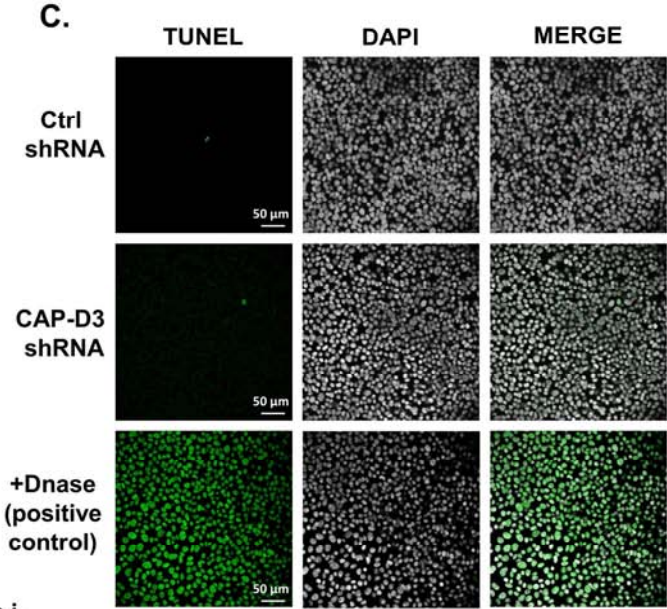
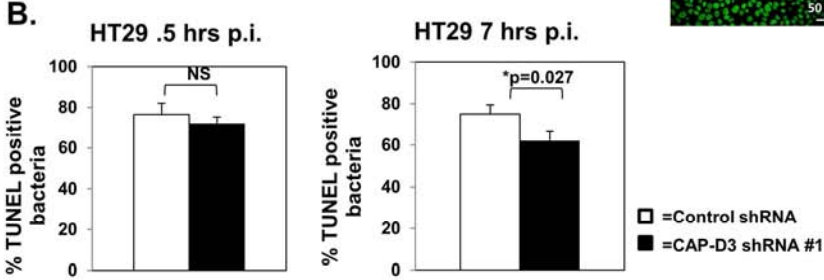
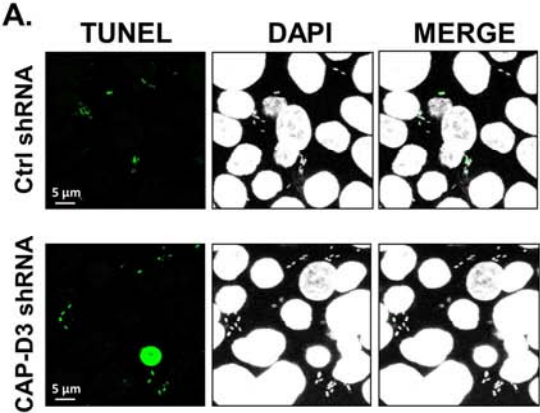


Supp Fig 1.



Supp Fig 2.

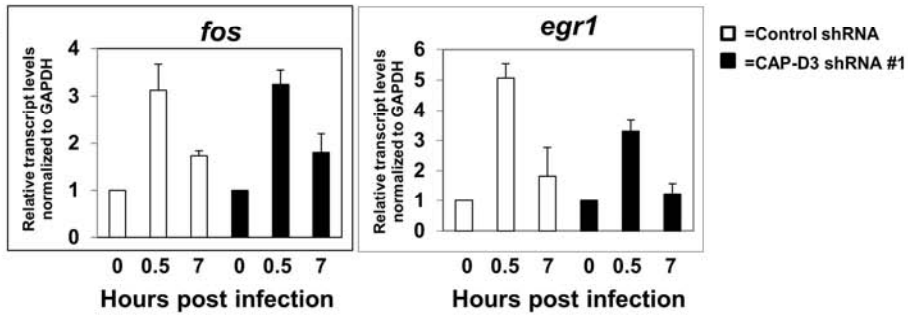
A. 0-0.5 hrs pi

Gene	Log Fold Change Control shRNA	Log Fold Change CAP-D3 shRNA
EGR1	2.5009	1.90937
FOS	2.08343	1.36452
CXCL2	1.66624	2.09502
CTGF	1.66399	1.78975
EGR3	1.61502	1.08075
JUNB	1.19796	1.15471
TXNP	1.10235	1.18333
ARRDC4	1.08908	1.0538
IER2	1.04466	0.816562
FOSB	0.986284	0.916318
ITPRIP	0.985241	1.04217
DUSP2	0.85761	0.858135
ASNS	0.850531	1.20222

B. 0.5-7 hrs pi

Gene	Log Fold Change Control shRNA	Log Fold Change CAP-D3 shRNA
EGR1	-2.25992	-1.82555
FOS	-1.57959	-0.731901
CXCL2	-1.78142	-2.02922
CTGF	-3.29013	-3.30836
EGR3	-0.349069	0.0437428
JUNB	-0.212554	-0.199953
TXNP	-0.245706	-0.033916
ARRDC4	0.566189	0.585689
IER2	-0.412884	-0.322957
FOSB	-0.612801	-0.538566
ITPRIP	-1.06642	-1.15099
DUSP2	-0.302869	-0.344885
ASNS	-1.70796	-2.16043

C.



Supp Fig 3.

A.

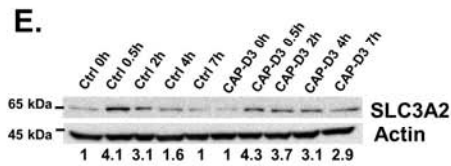
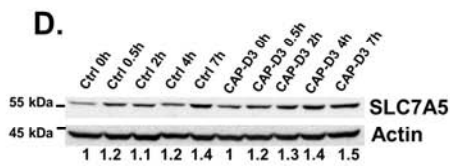
Category	Term	Benjamini
GOTERM_MF_FAT	GO:0015175-neutral amino acid transmembrane transporter activity	3.20E-05
GOTERM_MF_FAT	GO:0015171-amino acid transmembrane transporter activity	0.001135244
GOTERM_MF_FAT	GO:0005275-amine transmembrane transporter activity	0.00186038
GOTERM_MF_FAT	GO:0016876-ligase activity, forming aminoacyl-tRNA and related compounds	0.008632781
GOTERM_MF_FAT	GO:0016875-ligase activity, forming carbon-oxygen bonds	0.008632781
GOTERM_BP_FAT	GO:0006865-amino acid transport	0.010735462
GOTERM_BP_FAT	GO:0015837-amine transport	0.015305194
GOTERM_BP_FAT	GO:0043038-amino acid activation	0.019978293
GOTERM_BP_FAT	GO:0006418-tRNA aminoacylation for protein translation	0.019978293
GOTERM_BP_FAT	GO:0043039-tRNA aminoacylation	0.019978293
GOTERM_BP_FAT	GO:0015849-organic acid transport	0.024090739
GOTERM_BP_FAT	GO:0046942-carboxylic acid transport	0.02811932
GOTERM_MF_FAT	GO:0008483-transaminase activity	0.037515306
GOTERM_CC_FAT	GO:0000786-nucleosome	0.040208544
GOTERM_BP_FAT	GO:0034728-nucleosome organization	0.046658528
GOTERM_BP_FAT	GO:0031497-chromatin assembly	0.048088516
GOTERM_BP_FAT	GO:0065004-protein-DNA complex assembly	0.048648079
GOTERM_CC_FAT	GO:0032993-protein-DNA complex	0.049478584
GOTERM_BP_FAT	GO:0006334-nucleosome assembly	0.04961637

B. 0-0.5 hrs pi

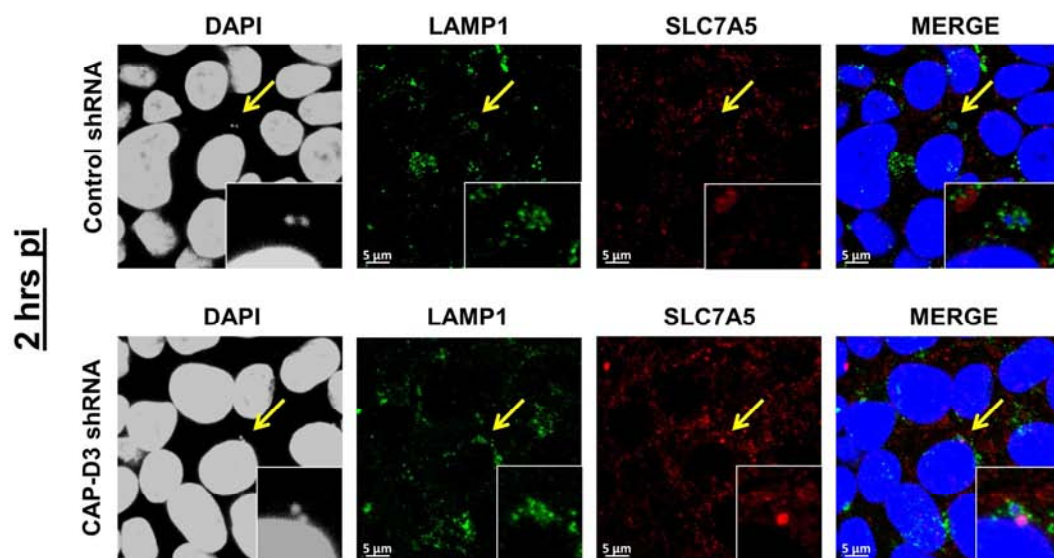
Gene	Log Fold Change Control shRNA	Log Fold Change CAP-D3 shRNA
SLC7A5	0.448212	1.24271
SLC1A5	0.333181	0.933635
SLC3A2	0.364393	0.898739
SLC4A5	0.518368	0.808481

C. 0.5-7 hrs pi

Gene	Log Fold Change Control shRNA	Log Fold Change CAP-D3 shRNA
SLC7A5	0.0135855	-0.620134
SLC1A5	-0.221535	-0.88444
SLC3A2	-0.61404	-1.13978
SLC4A5	-0.280255	-0.574911

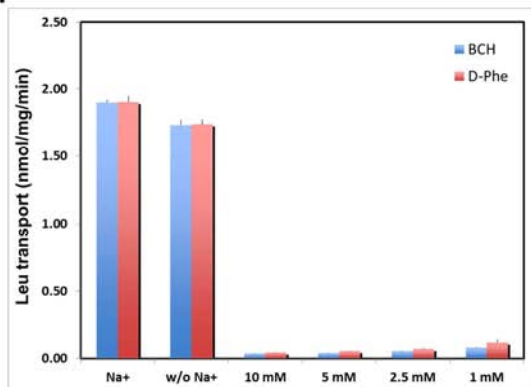


Supp Fig 4.

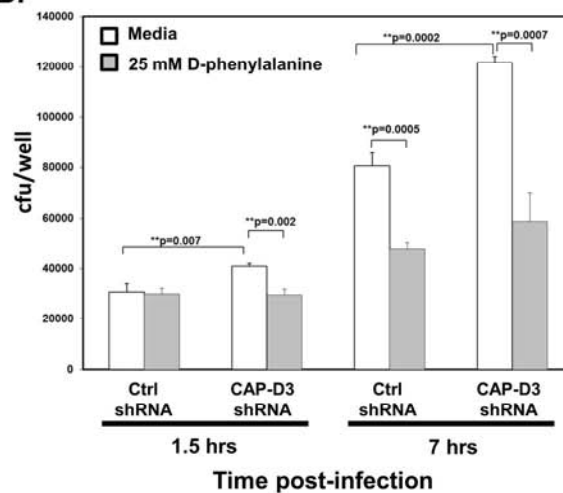


Supp Fig 5.

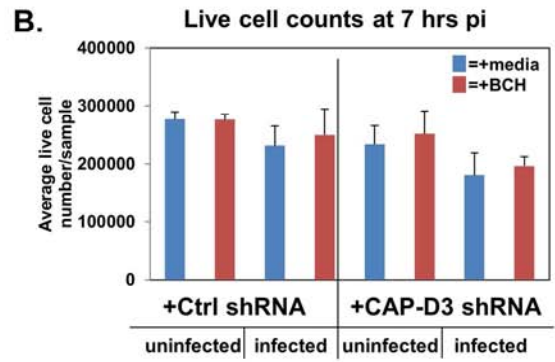
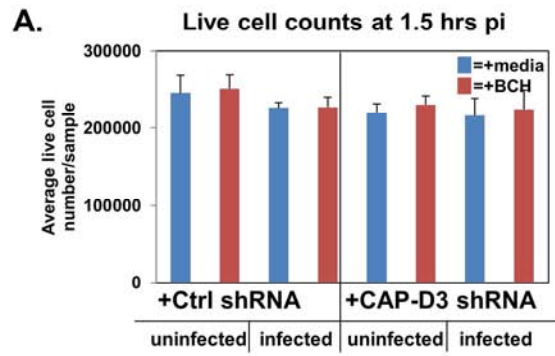
A.



B.



Supp Fig 6.



Supplemental Materials and Methods

Lentiviral transduction

Lentivirus transduction was performed in HT-29 and Caco-2 cells using custom viral particles produced with the pLKO-puro-IPTG-3xLacO vector (Sigma). Briefly, cells were plated to 80% confluency in a 12-well plate in 1mL of media/well and incubated at 37°C overnight. Growth medium was prepared with 8µg/ml of polybrene and added to each well the following day. Non-target (control)(pLKO-puro-IPTG-3xLacO Non-Target Control) or CAP-D3 shRNA (TRCN0000286630 (TRC1) or TRCN0000286632 (TRC2)) lentiviral particles (50µl, 1000U/µl) were added to each well, gently mixed and incubated for 8 hours. After incubation, the polybrene containing media was changed to normal growth media. Seventy-two hours after transduction, cells were puromycin selected to make stable lines. In the absence of the lactose analog, IPTG (isopropyl-β-D-thio-galactoside) (Sigma), the LacI repressor binds to LacO preventing expression of the shRNA. In the presence of IPTG, LacI changes conformation, releasing itself from the lacO modified human U6 promoter, and subsequently allows expression of the shRNA.

TUNEL assay

Confluent, IPTG treated cells were grown and infected with *S. typhimurium* on coverslips in 6 well dishes. Epithelial cell and bacterial cell death was measured using the DeadEnd Fluorometric TUNEL System (Promega). Quantification of TUNEL assays was performed by dividing the number of TUNEL positive bacteria by the total number of bacteria in one frame and then averaging the percentages of 5 frames. Experiments were repeated three times.

Characterization of isolated epithelial cells from resected colon tissues

Briefly, resected colon tissues were cut into strips and washed (gently stirred) in Hank's Balanced Salt Solution (HBSS) with 150mM DTT for 1 hour at room temperature (RT), and then washed multiple times in HBSS with 1 mM EDTA. Following the second wash, epithelial cells were pelleted, washed with PBS, and equally separated to isolate RNA and protein.

AIEC LF82 infection assays

Cells were infected with early-log phase adherent-invasive *Escherichia coli* LF82 (gift of Arlette Darfeuille-Michaud, University of Clermont, France) at an MOI of 10. Cells were centrifuged for 10 minutes at 1000 rpm, followed by incubation at 37°C for a maximum of 3h. To assess viable intracellular bacteria, media containing gentamycin (50 µg/mL) was added to the cells for the last 30 minutes of the infection. Cells were then washed twice with PBS and lysed in 50µL

lysis buffer (PBS/0.1% Triton X-100) on ice for 10 minutes, diluted in LB and plated onto LB plates in duplicate. Plates were incubated overnight at 37°C to determine viable colony forming units (CFU). Experiments were performed at least three times with at least two replicates for each condition/timepoint included in every experiment.

Processing of RNA-seq raw data files

Samples were evaluated for quality and trimmed of adapters and low-quality bases using Trim Galore! v.0.3.3 (http://www.bioinformatics.babraham.ac.uk/projects/trim_galore/) with default settings to produce FastQC plots and trimmed read files. Trimmed reads were then aligned and quantified using TopHat (v.2.0.8) and Cufflinks (v2.2.0). Human genome (hg19) sequences and annotations were downloaded 14 May 2014 from the Illumina iGenome server (ftp://igenome:G3nom3s4u@ussd-ftp.illumina.com/Homo_sapiens/UCSC/hg19/Homo_sapiens_UCSC_hg19.tar.gz). The Cufflinks work flow was followed using default settings but with Tophat set to "sensitive" mode (--b2-sensitive) with inner mate pair distance and standard deviation set to 100 and 30, respectively (-r 100 --mate-std-dev 30), based on library parameters. Cuffdiff was used to assess differential expression. An adjusted P-value < 0.05 and a fold change >1.75 was deemed significant^{1,2}. Raw data files from RNA-sequencing experiments have been deposited under the NCBI GEO accession number GSE62520.

qRT-PCR primer sequences used:

<i>hcap-d3</i> fwd	ATGCAGATGTGGCCGGGACG
<i>hcap-d3</i> rev	GCTGGCTCACGGCAGGTGAC
<i>fosb</i> fwd	GCTCCCGGTGTAGCTCATCA
<i>fosb</i> rev	CTGAAGATCCTGGCTGGTTGTG
<i>egr1</i> fwd	CTTCAACCCTCAGGCGGACA
<i>egr1</i> rev	GTTTGGCTGGGGTAACTGGT
<i>slc7a5</i> fwd	GATCCTGCTGGGCTTCGT
<i>slc7a5</i> rev	AGTTTGGTGCCTTCAAATGAGAA
<i>slc3a2</i> fwd	AGCATCCGTGTCATTCTG
<i>slc3a2</i> rev	GAGCATCCTTCACCTTGG
<i>gapdh</i> fwd	AGCCTCCCGCTTCGCTCTCT
<i>gapdh</i> rev	CCAGGCGCCCAATACGACCA

Immunoblotting

Cells were lysed with RIPA Buffer (10mM Tris-HCl, 150 mM NaCl, 1% deoxycholic acid, 1% NP-40, 0.1% SDS, 1% Triton X-100, 0.1mM EDTA, 0.1mM Na₃VO₄, 1 complete Mini, EDTA-free Protease inhibitor cocktail tablet (Roche)) and incubated 15 minutes on ice. Samples were centrifuged at 13000 rpm for 5 minutes at 4°C and supernatant was collected. Protein was quantitated by Bradford Assay and lysates were boiled for 5 minutes (lysates intended for immunoblotting for amino acid transporters were incubated at 37°C for 10 minutes), separated by SDS-PAGE, and transferred onto a nitrocellulose membrane. The membrane was blocked in PBS containing 0.1% Tween-20 (PBST) and 5% milk powder or BSA and incubated in primary antibody in block buffer. The membrane was washed three times with PBST and incubated in species specific secondary antibody diluted in block buffer for 1 hour. ECL Western Blotting Substrate (Pierce) was applied. Densitometry analysis was performed using the ChemiDoc XRS+ with ImageLab Software (BioRad). Each experiment was performed at least three times. Antibodies used: CAP-D3 (Bethyl Labs, A300-604A) at 1:200, LC3B (Cell Signaling, 2775) at 1:1000, CD98 (AbCAM, ab108300) at 1:1000, SLC7A5 (LSBio, LS-C136957) at 1:1000, β-Tubulin (Cell Signaling, 2146) at 1:1000, and Villin-1 (Cell Signaling, 2369) at 1:1000.

immunofluorescence

Cells on glass coverslips were washed with PBS, fixed in 4% formaldehyde in PBS for 10min, then washed in PBS for 5min. Coverslips were incubated in 0.1% Triton X-100 for 10min, washed twice, and incubated in blocking buffer (0.5% NP-40, 1% BSA, PBS) for 30min. Histochoice-fixed, paraffin-embedded colonic tissue sections were deparaffinized by submergence twice in ClearRite (Fisher) for 3min, twice in Flex100 for 1min and 2min sequentially, twice in Flex95 for 1min and 2min sequentially, rinsed in H₂O and blocked with 2% bovine serum (BSA) in HBSS for 30min. Primary antibody diluted in blocking buffer was added to the coverslips which were incubated overnight at 4°C. Coverslips were washed with PBS 3x 5min with gentle shaking. Secondary antibody in block buffer was added to coverslips and incubated for 2h at RT away from light. Following three PBS washes, coverslips were mounted on slides with Vectashield with DAPI (Vector Labs). Images were obtained using the Leica DM 6000 CFS microscope outfitted with a Leica TCS SP5 II scan head using LAS AF (Leica Application Suite Advanced Fluorescence v 2.6.0) software. All images shown are the maximum projection of z-stacks. Five fields of view containing an average number of 20-25 bacteria were examined for each timepoint in each cell line. Experiments were repeated three times.

Antibodies used: Anti-*Salmonella* antibody, clone 5D12A (AbD Serotec) at 1:500, SLC7A5 (Abcam ab85226) at 1:200, LAMP-1 (DSHB, H4A3) at 1:200, mTOR (Cell Signalling, 2983) at 1:100, s100A12 (Abcam ab118044) at 1:1000, and CAP-D3 (Abgent, AT2610a) at 1:100.

Leucine transport assay

Experiments were performed as described in ³. Specifically, cells were incubated with 10 μ M Leu (4 μ Ci per ml) at 37°C for 2 minutes, either in Earle's balanced salt solution (EBSS) for sodium dependent assays or EBSS with NaCl replaced by choline chloride for sodium independent assays. All radiochemicals were from Perkin Elmer.

1. Kim D, Pertea G, Trapnell C, et al. TopHat2: accurate alignment of transcriptomes in the presence of insertions, deletions and gene fusions. *Genome Biol* 2013;14:R36.
2. Trapnell C, Hendrickson DG, Sauvageau M, et al. Differential analysis of gene regulation at transcript resolution with RNA-seq. *Nat Biotechnol* 2013;31:46-53.
3. Krokowski D, Han J, Saikia M, et al. A self-defeating anabolic program leads to beta-cell apoptosis in endoplasmic reticulum stress-induced diabetes via regulation of amino acid flux. *J Biol Chem* 2013;288:17202-13.

Supplementary Table 1. Information on de-identified patient tissues from which epithelial cells were isolated.

Group	Donor/Diagnosis	Age	Sex	Used for:
Control	A- Diverticulitis	65	M	CAP-D3 Immunblot
Control	B- Diverticulitis	59	F	CAP-D3 Immunblot
Control	C- Diverticulitis	54	M	CAP-D3 Immunblot
Control	D- Diverticulitis	62	F	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
Control	E-Diverticulitis	41	M	CAP-D3 Immunblot
Control	F-Diverticulitis	50	M	CAP-D3 Immunblot
Control	G-Diverticulitis	69	M	CAP-D3 Immunblot
Control	H-Diverticulitis	77	M	CAP-D3 Immunblot
Control	I-Diverticulitis and Fistula	87	M	CAP-D3 Immunblot
Control	J-Diverticulitis	76	F	CAP-D3 Immunblot
Control	K-Constipation	32	F	CAP-D3 Immunblot
Control	L-Fistula	42	M	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
Control	M-Constipation and Endometriosis	35	F	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
Control	N-Volvulus	47	F	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
CD	A- inactive Crohn's Disease	33	M	CAP-D3 Immunblot
CD	B- inactive Crohn's Disease	32	M	CAP-D3 Immunblot
CD	C- inactive Crohn's Disease	34	M	CAP-D3 Immunblot
CD	D-active Crohn's Disease	60	F	CAP-D3 Immunblot
CD	E-active Crohn's Disease	29	F	CAP-D3 Immunblot
CD	F-active Crohn's Disease	30	M	CAP-D3 Immunblot
CD	G-active Crohn's Disease	61	F	CAP-D3 Immunblot
UC	A-inactive ulcerative colitis	45	M	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
UC	B-inactive ulcerative colitis	55	F	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
UC	C-inactive ulcerative colitis	25	M	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
UC	D-inactive ulcerative colitis	28	M	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
UC	E-inactive ulcerative colitis	19	F	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
UC	F-active ulcerative colitis	31	F	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
UC	G-active ulcerative colitis	37	F	CAP-D3 Immunblot
UC	H-active ulcerative colitis	25	M	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
UC	I-active ulcerative colitis	55	M	CAP-D3 Immunblot, aa transporter qRT-PCR
UC	J-active ulcerative colitis	57	F	aa transporter qRT-PCR

Supplemental Table 2. Analysis of differentially expressed genes in uninfected control shRNA and CAP-D3 shRNA expressing HT-29 cells.

test_id	gene_id	gene	locus	cap-d3/ctrl log2(fold_change)	q_value
XLOC_007741	XLOC_007741	RPS17L	chr15:83205503-83209208	-7.95849	0.0123281
XLOC_023085	XLOC_023085	ENG	chr9:130577290-130617047	-2.53242	0.0123281
XLOC_024027	XLOC_024027	IL13RA2	chrX:114238537-114252207	-2.30821	0.0123281
XLOC_004636	XLOC_004636	NCAPD3	chr11:134022336-134094426	-1.84469	0.0123281
XLOC_018679	XLOC_018679	HIST1H1C	chr6:26055967-26056699	-1.51086	0.0123281
XLOC_015898	XLOC_015898	HCLS1	chr3:121350245-121379791	-1.35537	0.0438333
XLOC_003926	XLOC_003926	JAM3	chr11:133938819-134021652	-1.336	0.0123281
XLOC_001792	XLOC_001792	HIST2H2BE	chr1:149856009-149858232	-1.28968	0.0123281
XLOC_009911	XLOC_009911	ICAM2	chr17:62075710-62097994	-1.10226	0.0123281
XLOC_009826	XLOC_009826	HOXB13	chr17:46802126-46806111	-1.03019	0.0123281
XLOC_003329	XLOC_003329	ADM	chr11:10326641-10328923	-0.825143	0.0123281
XLOC_006506	XLOC_006506	IFI27	chr14:94577078-94583033	-0.797034	0.0123281
XLOC_016139	XLOC_016139	TFRC	chr3:195776154-195809032	-0.769816	0.0123281
XLOC_018558	XLOC_018558	AKAP12	chr6:151561133-151679694	-0.738465	0.0123281
XLOC_022336	XLOC_022336	CA9	chr9:35673914-35681154	-0.731957	0.0123281
XLOC_020767	XLOC_020767	CALD1	chr7:134464163-134655480	-0.709175	0.0123281
XLOC_013219	XLOC_013219	STK39	chr2:168810529-169104105	-0.664014	0.0123281
XLOC_000846	XLOC_000846	RGS4	chr1:163038395-163046592	-0.640208	0.0123281
XLOC_018695	XLOC_018695	HIST1H2BK	chr6:27106071-27114637	-0.636693	0.02367
XLOC_021506	XLOC_021506	C8orf58	chr8:22457113-22461662	-0.623157	0.0123281
XLOC_016388	XLOC_016388	FAM47E,FAM47E-STBD1,STBD1	chr4:77135192-77232283	-0.597361	0.02367
XLOC_001315	XLOC_001315	IFFO2	chr1:19230773-19282826	-0.584278	0.0123281
XLOC_017283	XLOC_017283	SRFBP1	chr5:121297655-121364295	0.563312	0.0123281
XLOC_003795	XLOC_003795	AASDHPPT	chr11:105921824-105969419	0.575222	0.0123281
XLOC_017579	XLOC_017579	CMBL	chr5:10277706-10308168	0.577618	0.0123281
XLOC_010664	XLOC_010664	KLF2	chr19:16435650-16438339	0.618256	0.0341394
XLOC_012805	XLOC_012805	WDR35	chr2:20110028-20189884	0.63378	0.0123281
XLOC_010394	XLOC_010394	VPS4B	chr18:61056424-61089752	0.651054	0.0123281
XLOC_015373	XLOC_015373	ZBTB38	chr3:141043054-141168632	0.652328	0.0123281
XLOC_014530	XLOC_014530	HMOX1	chr22:35777059-35790207	0.657063	0.0123281
XLOC_022078	XLOC_022078	RMDN1	chr8:87484577-87521009	0.679414	0.0123281
XLOC_006973	XLOC_006973	WARS	chr14:100800124-100842680	0.681329	0.0123281
XLOC_013272	XLOC_013272	TFPI	chr2:188328957-188419219	0.683032	0.0123281
XLOC_020427	XLOC_020427	GARS	chr7:30634180-30673648	0.683721	0.0123281
XLOC_021181	XLOC_021181	ASNS	chr7:97481428-97501854	0.701295	0.0438333
XLOC_023090	XLOC_023090	PIP5KL1	chr9:130683807-130693076	0.719684	0.0123281
XLOC_006979	XLOC_006979	MOK	chr14:102690833-102771537	0.734119	0.0123281
XLOC_023533	XLOC_023533	NGFRAP1	chrX:102631267-102633001	0.73618	0.0123281
XLOC_009472	XLOC_009472	ALOXE3	chr17:7999217-8022234	0.740742	0.0123281
XLOC_021873	XLOC_021873	FAM86B1	chr8:12039612-12051624	0.765563	0.0123281
XLOC_010285	XLOC_010285	LAMA1	chr18:6941742-7117813	0.803094	0.0123281
XLOC_022825	XLOC_022825	HINT2	chr9:35812956-35815042	0.871984	0.0123281
XLOC_020448	XLOC_020448	STARD3NL	chr7:38217807-38270272	0.897921	0.0123281
XLOC_001856	XLOC_001856	S100A2	chr1:153533584-153538306	0.912386	0.0123281
XLOC_002835	XLOC_002835	CUBN	chr10:16865964-17171816	0.923783	0.0123281
XLOC_014469	XLOC_014469	SNRPD3	chr22:24951617-24968509	0.93163	0.0123281
XLOC_018005	XLOC_018005	GFPT2	chr5:179727699-179780315	0.952026	0.0123281
XLOC_010990	XLOC_010990	ZNF114	chr19:48774653-48790863	0.961842	0.0123281
XLOC_000443	XLOC_000443	SGIP1	chr1:66999824-67210768	1.02045	0.0123281
XLOC_014830	XLOC_014830	NPTXR	chr22:39214455-39240017	1.0792	0.0341394
XLOC_011733	XLOC_011733	KCNN4	chr19:44270684-44285409	1.10237	0.0123281
XLOC_008877	XLOC_008877	TRPV2	chr17:16318855-16340317	1.38657	0.0123281
XLOC_015408	XLOC_015408	RAP2B	chr3:152880028-152886263	1.4378	0.0123281
XLOC_007737	XLOC_007737	RPS17	chr15:82821160-82824865	#NAME?	0.0123281
XLOC_001780	XLOC_001780	NBPF11,NBPF24	chr1:147574322-147624601	-4.14005	1
XLOC_021890	XLOC_021890	MTUS1	chr8:17501302-17658426	-3.98668	1
XLOC_004623	XLOC_004623	KCNJ1	chr11:128707908-128737268	-3.4462	1
XLOC_012710	XLOC_012710	EFHD1	chr2:233470766-233547491	-3.35982	1
XLOC_013834	XLOC_013834	SIGLEC1	chr20:3667616-3687775	-3.1649	1
XLOC_013608	XLOC_013608	C20orf144	chr20:32244892-32262264	-3.09133	0.999791
XLOC_001262	XLOC_001262	MASP2	chr1:11086579-11107296	-3.07722	1
XLOC_006891	XLOC_006891	SYNDIG1L	chr14:74872595-74892805	-3.07477	1
XLOC_007227	XLOC_007227	CGNL1	chr15:57668702-57842925	-3.07256	1
XLOC_023530	XLOC_023530	BEX4	chrX:102470019-102472128	-3.04431	1
XLOC_023321	XLOC_023321	CXorf30	chrX:36246895-36403434	-3.03473	1
XLOC_014151	XLOC_014151	LINC00649	chr21:35303515-35343487	-2.95533	1
XLOC_018437	XLOC_018437	LINC00222	chr6:109072856-109091145	-2.88778	1
XLOC_004851	XLOC_004851	SCN8A	chr12:51985019-52206648	-2.86119	1
XLOC_004624	XLOC_004624	C11orf45	chr11:128761312-128787951	-2.82897	1
XLOC_016717	XLOC_016717	RBM47	chr4:40425271-40631883	-2.71728	1
XLOC_022265	XLOC_022265	KCNV2	chr9:2717525-2730037	-2.71	1
XLOC_022424	XLOC_022424	NXNL2	chr9:91150015-91190704	-2.65296	1
XLOC_021464	XLOC_021464	C8orf12,TDH	chr8:11197145-11324276	-2.6379	1
XLOC_011518	XLOC_011518	USHBP1	chr19:17360848-17375544	-2.58478	1
XLOC_000325	XLOC_000325	LOC100129924	chr1:43253660-43263901	-2.56815	1

XLOC_023911	XLOC_023911	EDA2R	chrX:65815481-65859140	-2.56769	1
XLOC_015018	XLOC_015018	DLEC1	chr3:38080695-38178733	-2.54545	1
XLOC_023599	XLOC_023599	GRIA3	chrX:122318095-122624766	-2.54305	1
XLOC_009231	XLOC_009231	C17orf72	chr17:62075710-62097994	-2.54019	1
XLOC_011656	XLOC_011656	FBXO17	chr19:39432041-39466380	-2.47288	1
XLOC_004692	XLOC_004692	PTPN6	chr12:7055739-7070479	-2.44938	1
XLOC_010997	XLOC_010997	SULT2B1	chr19:49055428-49102684	-2.44707	1
XLOC_001557	XLOC_001557	GLIS1	chr1:53971905-54199877	-2.44639	1
XLOC_003794	XLOC_003794	GRIA4	chr1:105480799-105852819	-2.43928	1
XLOC_004732	XLOC_004732	BCL2L14	chr12:12223877-12252627	-2.42082	1
XLOC_000328	XLOC_000328	SLC2A1-AS1	chr1:43391045-43449029	-2.37383	1
XLOC_002977	XLOC_002977	PRF1	chr10:72357103-72362531	-2.36734	1
XLOC_018829	XLOC_018829	TCP11	chr6:35085848-35109187	-2.36297	1
XLOC_012495	XLOC_012495	NOSTRIN	chr2:169643048-169721849	-2.35464	1
XLOC_002613	XLOC_002613	C10orf131	chr10:97471535-97849992	-2.35194	1
XLOC_013982	XLOC_013982	RIMS4	chr20:43374487-43438979	-2.35052	1
XLOC_015250	XLOC_015250	CD96	chr3:111260925-111371206	-2.35049	1
XLOC_015445	XLOC_015445	CLDN11	chr3:170136652-170152479	-2.34823	1
XLOC_021362	XLOC_021362	TRPV6	chr7:142568959-142583490	-2.3327	1
XLOC_004665	XLOC_004665	KCNA6	chr12:4918341-4960278	-2.31365	1
XLOC_022626	XLOC_022626	BARHL1	chr9:135457992-135465640	-2.30894	1
XLOC_008613	XLOC_008613	RRAD	chr16:66955581-66959439	-2.25807	0.668574
XLOC_019142	XLOC_019142	RAET1L	chr6:150341265-150346668	-2.25721	1
XLOC_006062	XLOC_006062	ZAR1L	chr13:32877907-32886091	-2.24093	1
XLOC_011991	XLOC_011991	ZNF772	chr19:57980953-57988938	-2.20697	1
XLOC_013687	XLOC_013687	WFDC13	chr20:44313289-44337456	-2.20415	1
XLOC_018566	XLOC_018566	TIAM2	chr6:155411422-155635617	-2.1965	1
XLOC_022121	XLOC_022121	SNX31	chr8:101585111-101661893	-2.19429	1
XLOC_013159	XLOC_013159	ANKRD30BL	chr2:132905163-133015542	-2.18647	1
XLOC_018420	XLOC_018420	KLHL32	chr6:97372495-97862283	-2.1788	1
XLOC_015073	XLOC_015073	CXCR6	chr3:45959390-46037316	-2.16955	1
XLOC_018284	XLOC_018284	APOBEC2	chr6:41020939-41032630	-2.169	1
XLOC_011227	XLOC_011227	ZNF549	chr19:58038692-58052244	-2.1547	1
XLOC_020740	XLOC_020740	FLNC	chr7:128470482-128499328	-2.14983	1
XLOC_004316	XLOC_004316	NAALADL1	chr11:64808375-64826009	-2.14123	1
XLOC_002608	XLOC_002608	CYP2C18	chr10:96443250-96495947	-2.12858	1
XLOC_009568	XLOC_009568	VTN	chr17:26694298-26697373	-2.10674	1
XLOC_015954	XLOC_015954	CPNE4	chr3:131253576-131753844	-2.08519	1
XLOC_007714	XLOC_007714	LOC91450	chr15:78285574-78286567	-2.08213	1
XLOC_001948	XLOC_001948	C1orf204,VSIG8	chr1:159796478-159832447	-2.07747	1
XLOC_011198	XLOC_011198	NLRP4	chr19:56296762-56393220	-2.06305	1
XLOC_014153	XLOC_014153	LINC00310	chr21:35552977-35562220	-2.0552	1
XLOC_011633	XLOC_011633	ZNF569	chr19:37902059-37958339	-2.0246	1
XLOC_011346	XLOC_011346	FUT5	chr19:5865836-5870551	-2.02138	1
XLOC_021393	XLOC_021393	GIMAP6	chr7:150322463-150329736	-2.01685	1
XLOC_004605	XLOC_004605	VSIG2	chr11:124617369-124622109	-2.011	1
XLOC_022457	XLOC_022457	LOC100507346	chr9:98205263-98279247	-1.98599	1
XLOC_008610	XLOC_008610	CCDC79	chr16:66788878-66835523	-1.98076	1
XLOC_011287	XLOC_011287	CSNK1G2-AS1	chr19:1941160-1981336	-1.95723	1
XLOC_022135	XLOC_022135	ABRA	chr8:107771710-107782472	-1.92667	1
XLOC_006007	XLOC_006007	GAS6-AS1	chr13:114518582-114567046	-1.92334	1
XLOC_016818	XLOC_016818	TMEM150C	chr4:83405603-83483126	-1.92031	1
XLOC_014874	XLOC_014874	SCUBE1	chr22:43599228-43739394	-1.91288	1
XLOC_020793	XLOC_020793	TAS2R3	chr7:141463896-141464997	-1.89951	1
XLOC_003573	XLOC_003573	RARRES3	chr1:163014620-63330855	-1.89671	1
XLOC_003148	XLOC_003148	C10orf82	chr10:118423206-118429481	-1.89024	1
XLOC_021177	XLOC_021177	LOC100506136	chr7:96250968-96293650	-1.89018	1
XLOC_022353	XLOC_022353	FRMPD1	chr9:37651051-37746901	-1.87144	1
XLOC_016075	XLOC_016075	PEX5L	chr3:179512746-179754841	-1.86978	1
XLOC_012075	XLOC_012075	FAM228A	chr2:24397971-24414567	-1.86516	1
XLOC_001666	XLOC_001666	DPYD	chr1:97543299-98386615	-1.85929	1
XLOC_005499	XLOC_005499	NFE2	chr12:54685890-54694821	-1.85203	1
XLOC_021070	XLOC_021070	SEPT14	chr7:55861236-55930482	-1.84978	1
XLOC_012851	XLOC_012851	LOC100505716	chr2:28004265-28561767	-1.8457	1
XLOC_010253	XLOC_010253	LOC284276	chr18:74240611-74271784	-1.84395	1
XLOC_020755	XLOC_020755	CPA4	chr7:129932973-129964020	-1.82594	1
XLOC_016305	XLOC_016305	SLC10A4	chr4:48485359-48491541	-1.81472	1
XLOC_014183	XLOC_014183	MX2	chr21:42733949-42780869	-1.80959	1
XLOC_022183	XLOC_022183	KCNQ3	chr8:133133104-133493004	-1.79778	1
XLOC_005577	XLOC_005577	LOC100130075	chr12:69198216-69199274	-1.79387	1
XLOC_011361	XLOC_011361	C3	chr19:6677845-6720662	-1.7919	1
XLOC_007396	XLOC_007396	MESP2	chr15:90319588-90321982	-1.76981	1
XLOC_023754	XLOC_023754	GPR143	chrX:9693452-9734005	-1.76322	1
XLOC_015571	XLOC_015571	ATP2B2	chr3:10365706-10547268	-1.76046	1
XLOC_021923	XLOC_021923	ADRA1A	chr8:26605666-26722922	-1.7561	1
XLOC_001205	XLOC_001205	TMEM240	chr1:1470157-1475740	-1.72688	1
XLOC_021564	XLOC_021564	IDO1	chr8:39771327-39786309	-1.71658	1
XLOC_000274	XLOC_000274	GJB3	chr1:35246789-35251967	-1.71269	1
XLOC_016465	XLOC_016465	RRH	chr4:110749149-110765861	-1.70376	1

XLOC_021028	XLOC_021028	LOC100506895	chr7:43152197-43602938	-1.70041	1
XLOC_005992	XLOC_005992	TEX29	chr13:111973014-111996594	-1.70007	0.999791
XLOC_004105	XLOC_004105	IGSF22	chr11:18720350-18747777	-1.69671	1
XLOC_007785	XLOC_007785	LOC100144604	chr15:93111047-93115493	-1.69491	1
XLOC_001379	XLOC_001379	NR0B2	chr1:27237974-27240567	-1.69335	1
XLOC_016127	XLOC_016127	GP5	chr3:194115549-194119995	-1.68186	1
XLOC_000421	XLOC_000421	HOOK1	chr1:60280532-60342050	-1.67962	1
XLOC_003626	XLOC_003626	OVOL1	chr11:65554504-65564690	-1.66074	1
XLOC_023739	XLOC_023739	LINC00102	chrX:2527305-2575270	-1.65667	1
XLOC_012281	XLOC_012281	ATOH8	chr2:85980908-86018506	-1.65653	1
XLOC_017007	XLOC_017007	GPM6A	chr4:176554087-176923842	-1.64829	1
XLOC_010064	XLOC_010064	ZNF750	chr17:80709939-80901062	-1.64072	1
XLOC_018682	XLOC_018682	HIST1H4D	chr6:26188937-26189304	-1.62059	0.999791
XLOC_001022	XLOC_001022	LOC148696	chr1:207991723-207995941	-1.61515	1
XLOC_010326	XLOC_010326	KLHL14	chr18:30252633-30352974	-1.61468	1
XLOC_014740	XLOC_014740	MN1	chr22:28144264-28197486	-1.60988	1
XLOC_020717	XLOC_020717	CPED1	chr7:120628750-120937498	-1.60965	1
XLOC_015894	XLOC_015894	FSTL1	chr3:120113060-120169918	-1.60551	1
XLOC_018694	XLOC_018694	HIST1H2BJ	chr6:27100094-27100575	-1.60523	0.253607
XLOC_012398	XLOC_012398	LOC440900	chr2:114735245-114764887	-1.60093	1
XLOC_010526	XLOC_010526	VAV1	chr19:6772678-6857377	-1.59925	1
XLOC_008540	XLOC_008540	ZNF843	chr16:31446884-31454348	-1.59311	1
XLOC_002259	XLOC_002259	GNG4	chr1:235710984-235814054	-1.59075	1
XLOC_018794	XLOC_018794	HLA-DRB5	chr6:32485153-32489006	-1.58998	1
XLOC_004997	XLOC_004997	GLIPR1L1	chr12:75728462-75764169	-1.58495	1
XLOC_008537	XLOC_008537	PYGARD	chr16:31212806-31214097	-1.5839	1
XLOC_005129	XLOC_005129	SRRM4	chr12:119419299-119600856	-1.57614	1
XLOC_003849	XLOC_003849	TMEM25	chr11:118401802-118436791	-1.57456	1
XLOC_013523	XLOC_013523	BMP2	chr20:6748744-6760910	-1.57113	1
XLOC_001247	XLOC_001247	TNFRSF9	chr1:7975930-8003225	-1.57019	1
XLOC_006181	XLOC_006181	DCT	chr13:95091840-95131936	-1.57009	1
XLOC_006350	XLOC_006350	LINC00640	chr14:51800110-51832275	-1.5699	1
XLOC_023457	XLOC_023457	GDPD2	chrX:69642880-69653241	-1.56741	1
XLOC_016389	XLOC_016389	SHROOM3	chr4:77356252-77704405	-1.56718	1
XLOC_009219	XLOC_009219	MRC2	chr17:60704761-60770962	-1.55761	1
XLOC_023939	XLOC_023939	MAP2K4P1	chrX:72744110-72782921	-1.55384	1
XLOC_003122	XLOC_003122	CALHM1	chr10:105213143-105218648	-1.54941	1
XLOC_001362	XLOC_001362	RCAN3AS	chr1:24822822-24863510	-1.54842	0.999791
XLOC_013920	XLOC_013920	TSPY26P	chr20:30776948-30778163	-1.54771	1
XLOC_017285	XLOC_017285	LOC100505841	chr5:121495870-121518358	-1.54687	0.993188
XLOC_012419	XLOC_012419	MYO7B	chr2:128293377-128395303	-1.54618	1
XLOC_022803	XLOC_022803	ARID3C	chr9:34621454-34628011	-1.54361	1
XLOC_011879	XLOC_011879	KLK15	chr19:51328544-51334779	-1.54309	1
XLOC_005276	XLOC_005276	A2M	chr12:9217772-9268558	-1.53661	1
XLOC_000451	XLOC_000451	LRRC7	chr1:70225857-70589171	-1.53582	1
XLOC_004625	XLOC_004625	TP53AIP1	chr11:128804626-128813294	-1.53557	1
XLOC_002483	XLOC_002483	MYPN	chr10:69865873-69971773	-1.53225	1
XLOC_019192	XLOC_019192	C6orf123	chr6:168185218-168197539	-1.53159	1
XLOC_001445	XLOC_001445	COL8A2	chr1:36560843-36565850	-1.52985	1
XLOC_022305	XLOC_022305	LOC100506422	chr9:26066672-26118406	-1.52439	1
XLOC_003080	XLOC_003080	LOXL4	chr10:100007442-100028007	-1.52217	1
XLOC_023116	XLOC_023116	FNBP1	chr9:132649465-132805473	-1.52087	1
XLOC_015284	XLOC_015284	STXBPL5L	chr3:120627049-121143608	-1.52072	1
XLOC_023555	XLOC_023555	VSIG1	chrX:107288199-107322414	-1.51183	1
XLOC_001252	XLOC_001252	SLC2A5	chr1:9097004-9129887	-1.50846	1
XLOC_019173	XLOC_019173	AGPAT4-IT1	chr6:161551056-161695107	-1.50694	1
XLOC_022791	XLOC_022791	PTENP1	chr7:33673501-33677418	-1.50437	1
XLOC_021045	XLOC_021045	MYO1G	chr7:45002259-45018704	-1.49189	1
XLOC_015989	XLOC_015989	SLC9A9	chr3:142984063-143567373	-1.48749	1
XLOC_022827	XLOC_022827	OR13J1	chr9:35869459-35870398	-1.47263	1
XLOC_018132	XLOC_018132	HIST1H2BN	chr6:27806439-27806888	-1.46798	0.727853
XLOC_021615	XLOC_021615	DNAJC5B	chr8:66933790-67012755	-1.46567	1
XLOC_021296	XLOC_021296	GRM8	chr7:126078651-126892428	-1.46556	1
XLOC_016017	XLOC_016017	ARHGFE26-AS1	chr3:153742189-153975616	-1.46447	1
XLOC_003652	XLOC_003652	SYT12	chr11:66790189-66818334	-1.462	1
XLOC_002968	XLOC_002968	TACR2	chr10:71163957-71176674	-1.4612	1
XLOC_021814	XLOC_021814	C8orf42	chr8:439789-495781	-1.46106	1
XLOC_014958	XLOC_014958	LINC00620	chr3:13692220-13788132	-1.45643	1
XLOC_021634	XLOC_021634	STAU2-AS1	chr8:74332308-74659943	-1.45144	1
XLOC_003696	XLOC_003696	FOLR3	chr11:71846770-71850934	-1.45108	1
XLOC_000668	XLOC_000668	BOLA1	chr1:149871154-149872348	-1.45106	1
XLOC_004442	XLOC_004442	DLG2	chr11:83166055-85338314	-1.45084	1
XLOC_010875	XLOC_010875	CYP2F1	chr19:41620352-41634281	-1.44432	1
XLOC_009482	XLOC_009482	LOC100128288	chr17:8261730-8263859	-1.43135	1
XLOC_017996	XLOC_017996	CBY3	chr5:179105558-179107975	-1.42929	1
XLOC_002614	XLOC_002614	CC2D2B	chr10:97471535-97849992	-1.42903	1
XLOC_008298	XLOC_008298	DPEP1	chr16:89679715-89704839	-1.42879	0.3419
XLOC_022415	XLOC_022415	LOC100506834	chr9:89563612-89616948	-1.42877	1
XLOC_011898	XLOC_011898	LOC147646	chr19:51891542-51893828	-1.42637	1

XLOC_014475	XLOC_014475	CRYBB3	chr22:25595816-25603326	-1.42054	1
XLOC_011100	XLOC_011100	ZNF813	chr19:53970988-53997546	-1.41902	1
XLOC_021356	XLOC_021356	PRSS37	chr7:141536077-141541221	-1.41599	1
XLOC_015864	XLOC_015864	PVRL3-AS1	chr3:110764162-110788806	-1.41508	1
XLOC_016699	XLOC_016699	LGI2	chr4:25000470-25032414	-1.41472	1
XLOC_006414	XLOC_006414	ACTN1-AS1	chr14:69446398-69454180	-1.40891	1
XLOC_001483	XLOC_001483	COL9A2	chr1:40766162-40782939	-1.40634	1
XLOC_009134	XLOC_009134	EFCAB13	chr17:45401326-45518677	-1.4063	1
XLOC_008599	XLOC_008599	SNORA46	chr16:58549382-58663790	-1.4032	0.999791
XLOC_015031	XLOC_015031	SNORA6	chr3:39448203-39454032	-1.40243	0.999791
XLOC_005558	XLOC_005558	FAM19A2	chr12:62102028-62586620	-1.40123	1
XLOC_010421	XLOC_010421	MADCAM1	chr19:496489-505343	-1.39764	1
XLOC_022179	XLOC_022179	ASAP1-IT1	chr8:131064350-131455906	-1.39467	1
XLOC_022937	XLOC_022937	ECM2	chr9:95059639-95432547	-1.38223	1
XLOC_005122	XLOC_005122	LINC00173	chr12:116971226-116974318	-1.38079	0.999791
XLOC_015393	XLOC_015393	WWTR1-AS1	chr3:149235021-149421060	-1.37753	1
XLOC_007373	XLOC_007373	LOC100506874	chr15:85070426-85123412	-1.37389	1
XLOC_009198	XLOC_009198	PPM1E	chr17:56833229-57184266	-1.37089	1
XLOC_015914	XLOC_015914	MUC13	chr3:124624288-124653595	-1.36801	1
XLOC_008032	XLOC_008032	SPN	chr16:29674270-29681823	-1.36544	1
XLOC_005562	XLOC_005562	DPY19L2	chr12:63952692-64062354	-1.36262	1
XLOC_018104	XLOC_018104	HIST1H3E	chr6:26225382-26225844	-1.35738	0.999791
XLOC_008397	XLOC_008397	CDIP1	chr16:4560676-4588816	-1.35418	1
XLOC_009728	XLOC_009728	KRT17	chr17:39775691-39780882	-1.34751	1
XLOC_004646	XLOC_004646	WNT5B	chr12:1726221-1756378	-1.3427	1
XLOC_012734	XLOC_012734	KLHL30	chr2:239047362-239061547	-1.3391	1
XLOC_005738	XLOC_005738	PLA2G1B	chr12:120759913-120765592	-1.33778	1
XLOC_008802	XLOC_008802	ALOX12	chr17:6888441-6915653	-1.33608	1
XLOC_014885	XLOC_014885	SMC1B	chr22:45739944-45809500	-1.33582	1
XLOC_001103	XLOC_001103	TRIM67	chr1:231298673-231357314	-1.33053	1
XLOC_004826	XLOC_004826	PRPH	chr12:49688908-49692481	-1.32874	1
XLOC_007128	XLOC_007128	ANP32AP1	chr15:35529526-35530264	-1.3284	1
XLOC_010620	XLOC_010620	DAND5	chr19:13080431-13085567	-1.32784	1
XLOC_022381	XLOC_022381	FOXD4L3	chr9:70917782-70920000	-1.32308	1
XLOC_011591	XLOC_011591	SCGB1B2P	chr19:35067637-35068596	-1.31987	0.934472
XLOC_009722	XLOC_009722	KRT15	chr17:39669996-39675270	-1.31671	1
XLOC_006367	XLOC_006367	RPL13AP3	chr14:56232962-56234435	-1.31327	1
XLOC_015501	XLOC_015501	MIR1248,SNORA81	chr3:186501360-186524484	-1.31228	0.999791
XLOC_023285	XLOC_023285	CDKL5	chrX:18443724-18690223	-1.3109	1
XLOC_009632	XLOC_009632	CCL3	chr17:34415602-34417506	-1.30618	1
XLOC_003918	XLOC_003918	TMEM45B	chr11:129685740-129729898	-1.3059	1
XLOC_014319	XLOC_014319	CLDN14	chr21:37832919-37948867	-1.30169	1
XLOC_005273	XLOC_005273	MFAP5	chr12:8798539-8815433	-1.29899	1
XLOC_000819	XLOC_000819	KLHDC9	chr1:161068150-161070138	-1.29843	1
XLOC_002436	XLOC_002436	FAM35BP	chr10:46897640-46939145	-1.29746	1
XLOC_011094	XLOC_011094	VN1R2	chr19:53761544-53762855	-1.29577	1
XLOC_012998	XLOC_012998	M1AP	chr2:74785009-74875164	-1.28768	1
XLOC_016604	XLOC_016604	KLKB1	chr4:187148671-187179625	-1.28625	1
XLOC_002829	XLOC_002829	PPIAP30	chr10:15147770-15210695	-1.2809	1
XLOC_013552	XLOC_013552	RIN2	chr20:19867164-19983103	-1.27768	1
XLOC_016467	XLOC_016467	EGF	chr4:110834039-110934118	-1.27753	1
XLOC_002131	XLOC_002131	KISS1	chr1:204159468-204165619	-1.27689	1
XLOC_022648	XLOC_022648	COL5A1	chr9:137533651-137736688	-1.27392	1
XLOC_016240	XLOC_016240	DEFB131	chr4:9446259-9452240	-1.27286	1
XLOC_001041	XLOC_001041	FAM71A	chr1:212797788-212800120	-1.26987	1
XLOC_005401	XLOC_005401	SLC38A4	chr12:47158543-47219780	-1.26557	1
XLOC_007236	XLOC_007236	GCNT3	chr15:59903981-59912210	-1.26187	1
XLOC_018498	XLOC_018498	ENPP3	chr6:131958441-132068550	-1.25571	1
XLOC_002478	XLOC_002478	JMJD1C-AS1	chr10:64926987-65226322	-1.25557	0.999791
XLOC_007972	XLOC_007972	C16orf62	chr16:19566736-19712485	-1.25521	1
XLOC_023937	XLOC_023937	NAP1L6	chrX:72345875-72347919	-1.25424	1
XLOC_014340	XLOC_014340	RIPK4	chr21:43159528-43187249	-1.2499	1
XLOC_001471	XLOC_001471	RHBDL2	chr1:39351478-39407456	-1.24837	1
XLOC_023512	XLOC_023512	SRPX2	chrX:99899162-99926296	-1.23901	1
XLOC_018134	XLOC_018134	HIST1H2BO	chr6:27861202-27861669	-1.23824	0.973876
XLOC_011809	XLOC_011809	FAM83E	chr19:49103856-49116694	-1.23588	0.886909
XLOC_022948	XLOC_022948	FBP2	chr9:97321002-97356075	-1.23186	1
XLOC_008538	XLOC_008538	PYDC1	chr16:31225341-31236510	-1.23096	0.999791
XLOC_005938	XLOC_005938	C13orf45	chr13:76445173-76457948	-1.22685	1
XLOC_003689	XLOC_003689	KRTAP5-10	chr11:71276608-71277666	-1.22659	1
XLOC_017180	XLOC_017180	MAP1B	chr5:71403117-71505397	-1.22564	1
XLOC_010865	XLOC_010865	SPTBN4	chr19:40973125-41082365	-1.22515	1
XLOC_003821	XLOC_003821	BCO2	chr11:112046207-112089649	-1.21959	1
XLOC_018220	XLOC_018220	C4A,C4B_2	chr6:31982571-32003195	-1.21942	1
XLOC_015022	XLOC_015022	SLC22A14	chr3:38347444-38359859	-1.21878	1
XLOC_007327	XLOC_007327	SH2D7	chr15:78384926-78396393	-1.21697	1
XLOC_006953	XLOC_006953	SERPINA1	chr14:94843083-94857029	-1.21575	1
XLOC_010008	XLOC_010008	LOC100653515	chr17:76849058-76921472	-1.21351	1
XLOC_020729	XLOC_020729	SND1-IT1	chr7:127292201-127732659	-1.21119	1

XLOC_017090	XLOC_017090	LOC643401	chr5:27472398-27496508	-1.20911	1
XLOC_022625	XLOC_022625	C9orf171	chr9:135285610-135448675	-1.20275	1
XLOC_014196	XLOC_014196	LINC00319	chr21:44869903-44873771	-1.19823	1
XLOC_023777	XLOC_023777	RS1	chrX:18443724-18690223	-1.19354	1
XLOC_022087	XLOC_022087	RUNX1T1	chr8:92967194-93115454	-1.19272	1
XLOC_006186	XLOC_006186	DZIP1	chr13:96085852-96296960	-1.19232	1
XLOC_022932	XLOC_022932	MIR3651,SNORA84	chr9:94972489-95056038	-1.18845	0.999791
XLOC_024045	XLOC_024045	TMEM255A	chrX:119392504-119445391	-1.18504	1
XLOC_009699	XLOC_009699	KRTAP2-4	chr17:39221367-39222131	-1.18395	1
XLOC_011535	XLOC_011535	LRRC25	chr19:18501953-18508415	-1.17759	1
XLOC_022260	XLOC_022260	DMRT1	chr9:841689-969090	-1.17694	1
XLOC_006038	XLOC_006038	TPTE2P1	chr13:25502892-25542607	-1.17266	1
XLOC_006913	XLOC_006913	ISM2	chr14:77940737-77965210	-1.1696	1
XLOC_017826	XLOC_017826	SMAD5-AS1	chr5:135465202-135518422	-1.16913	1
XLOC_009084	XLOC_009084	AOC4	chr17:41019161-41021234	-1.16598	1
XLOC_022772	XLOC_022772	EQTN	chr9:27284653-27297137	-1.16535	1
XLOC_010690	XLOC_010690	KCNN1	chr19:18062110-18109930	-1.16526	1
XLOC_017504	XLOC_017504	CDHR2	chr5:175969511-176022769	-1.16083	1
XLOC_010977	XLOC_010977	CRX	chr19:48325098-48346586	-1.15745	1
XLOC_016924	XLOC_016924	CETN4P	chr4:123651343-123653613	-1.15284	1
XLOC_020625	XLOC_020625	MYH16	chr7:98870923-98895594	-1.15261	1
XLOC_005631	XLOC_005631	TMCC3	chr12:94960899-95044324	-1.15123	1
XLOC_005336	XLOC_005336	ARHGDI8	chr12:15094949-15114562	-1.14837	1
XLOC_010232	XLOC_010232	SERPINB7	chr18:61420280-61472610	-1.14803	1
XLOC_010836	XLOC_010836	RYR1	chr19:38924339-39078204	-1.14366	1
XLOC_000855	XLOC_000855	MAEL	chr1:166958518-166991447	-1.14275	1
XLOC_016177	XLOC_016177	NAT8L	chr4:2061238-2070816	-1.1418	1
XLOC_002764	XLOC_002764	JAKMIP3	chr10:133918312-133998313	-1.14097	1
XLOC_005296	XLOC_005296	STYK1	chr12:10771537-10826891	-1.13948	1
XLOC_016838	XLOC_016838	HSD17B13	chr4:88224940-88244056	-1.13752	1
XLOC_021048	XLOC_021048	NACAD	chr7:45120035-45128493	-1.13307	1
XLOC_010248	XLOC_010248	CNDP1	chr18:72201691-72252261	-1.13215	1
XLOC_016931	XLOC_016931	PCDH18	chr4:138440073-138453629	-1.13169	1
XLOC_000679	XLOC_000679	LINC00568	chr1:150488232-150490508	-1.1313	1
XLOC_014303	XLOC_014303	LOC100288432	chr21:34637936-34638565	-1.12974	0.999791
XLOC_013232	XLOC_013232	RAPGEF4-AS1	chr2:173587917-173917620	-1.12882	1
XLOC_018159	XLOC_018159	HLA-G	chr6:29794755-29798899	-1.12725	1
XLOC_010348	XLOC_010348	ST8SIA5	chr18:44259080-44337039	-1.12649	1
XLOC_003154	XLOC_003154	EMX2OS	chr10:119243803-119309057	-1.12459	1
XLOC_010667	XLOC_010667	NWD1	chr19:16830786-16928774	-1.12392	1
XLOC_012256	XLOC_012256	TLX2	chr2:74741595-74744275	-1.12146	1
XLOC_018127	XLOC_018127	LOC100131289	chr6:27729522-27730966	-1.12074	0.624111
XLOC_000985	XLOC_000985	PRELP	chr1:203444882-203460479	-1.11899	1
XLOC_020480	XLOC_020480	C7orf57	chr7:48075107-48100894	-1.11113	1
XLOC_004989	XLOC_004989	LGR5	chr12:71833812-71978621	-1.11032	1
XLOC_014566	XLOC_014566	POBEC3G	chr22:39473009-39483748	-1.10919	1
XLOC_016965	XLOC_016965	TIGD4	chr4:153690505-153700916	-1.10455	1
XLOC_018321	XLOC_018321	C6orf223	chr6:43968336-43973694	-1.10435	1
XLOC_021731	XLOC_021731	HAS2-AS1	chr8:122625270-122657564	-1.10188	1
XLOC_012231	XLOC_012231	ANKRD53	chr2:71205574-71212629	-1.09702	1
XLOC_021582	XLOC_021582	LOC100287846	chr8:48100929-48104439	-1.09508	1
XLOC_017451	XLOC_017451	LOC285626	chr5:158758525-158789842	-1.09471	1
XLOC_009942	XLOC_009942	LINC00511	chr17:70594179-70636611	-1.0934	1
XLOC_016885	XLOC_016885	RPL34-AS1	chr4:109459345-109541613	-1.0896	1
XLOC_014465	XLOC_014465	POM121L9P	chr22:24647588-24661492	-1.08767	1
XLOC_022717	XLOC_022717	RLN1	chr9:5334931-5339873	-1.08737	1
XLOC_019067	XLOC_019067	STL	chr6:125229391-125284173	-1.08332	1
XLOC_013506	XLOC_013506	HSPA12B	chr20:37133136-3733758	-1.07925	1
XLOC_008479	XLOC_008479	LOC100506655	chr16:25123046-25189551	-1.07782	1
XLOC_008831	XLOC_008831	EFNB3	chr17:7608519-7614693	-1.07495	1
XLOC_016762	XLOC_016762	GNRHR	chr4:68603098-68621804	-1.07494	1
XLOC_016733	XLOC_016733	CNGA1	chr4:47937993-48014961	-1.07125	1
XLOC_004763	XLOC_004763	SLCO1C1	chr12:20848288-20906320	-1.07067	1
XLOC_011600	XLOC_011600	KRTDAP	chr19:35978225-35981433	-1.06971	0.999791
XLOC_007179	XLOC_007179	CKMT1A	chr15:43985083-43991420	-1.06966	1
XLOC_020517	XLOC_020517	SNORA22	chr7:65111923-65235797	-1.06139	0.999791
XLOC_005652	XLOC_005652	SYCP3	chr12:102091416-102133250	-1.06037	1
XLOC_008250	XLOC_008250	LOC100129617	chr16:81478774-81745367	-1.05981	1
XLOC_005468	XLOC_005468	KRT5	chr12:52908358-52914243	-1.05977	1
XLOC_011720	XLOC_011720	PSG5	chr19:43671894-43690688	-1.05834	1
XLOC_015662	XLOC_015662	SLC6A20	chr3:45796940-45838035	-1.05522	1
XLOC_004981	XLOC_004981	LYZ	chr12:69742133-69748013	-1.0543	1
XLOC_007766	XLOC_007766	HAPLN3	chr15:89420518-89438770	-1.05404	0.519035
XLOC_020559	XLOC_020559	STAG3L1	chr7:74988428-74996914	-1.05364	1
XLOC_021620	XLOC_021620	C8orf46	chr8:67405490-67430759	-1.05186	1
XLOC_000093	XLOC_000093	TNFRSF1B	chr1:12227059-12269277	-1.05094	1
XLOC_003493	XLOC_003493	SERPING1	chr11:57365026-57382326	-1.04909	1
XLOC_021080	XLOC_021080	ZNF733P	chr7:62751669-62764434	-1.04811	1
XLOC_012284	XLOC_012284	SNORD94	chr2:86333304-86369280	-1.04408	0.999791

XLOC_001240	XLOC_001240	HES2	chr1:6475293-6479979	-1.0418	1
XLOC_006936	XLOC_006936	TC2N	chr14:92246266-92333880	-1.04148	1
XLOC_020515	XLOC_020515	INTS4L2	chr7:65111923-65235797	-1.04095	1
XLOC_008278	XLOC_008278	JPH3	chr16:87635440-87731761	-1.03948	1
XLOC_004479	XLOC_004479	MAML2	chr1:195711439-96076344	-1.03835	1
XLOC_016120	XLOC_016120	ATP13A4	chr3:193119865-193272696	-1.03745	1
XLOC_023174	XLOC_023174	LCN10	chr9:139632618-139637411	-1.03669	1
XLOC_010704	XLOC_010704	TMEM59L	chr19:18723681-18731849	-1.03567	1
XLOC_009797	XLOC_009797	ARL17A,ARL17B	chr17:44372496-44439163	-1.0353	1
XLOC_019110	XLOC_019110	PBOV1	chr6:138483052-138665800	-1.03356	1
XLOC_008225	XLOC_008225	HP	chr16:72088507-72094955	-1.03122	1
XLOC_005578	XLOC_005578	CPM	chr12:69244955-69357020	-1.03099	1
XLOC_008498	XLOC_008498	SLC7A5P1	chr16:29624423-29625038	-1.03019	0.999791
XLOC_003815	XLOC_003815	C11orf52,HSPB2	chr11:111783459-111797595	-1.0295	1
XLOC_018957	XLOC_018957	OOEP	chr6:74078279-74079515	-1.02948	1
XLOC_017565	XLOC_017565	FLJ33360	chr5:6310553-6337405	-1.02921	1
XLOC_005157	XLOC_005157	B3GNT4	chr12:122688227-122682084	-1.02531	0.230376
XLOC_007723	XLOC_007723	RASGRF1	chr15:79252288-79383215	-1.02195	1
XLOC_002632	XLOC_002632	GOLGA7B	chr10:99609994-99790585	-1.01931	1
XLOC_003319	XLOC_003319	SNORA45	chr11:8703994-8711419	-1.01869	0.999791
XLOC_017112	XLOC_017112	PTGER4	chr5:40680031-40693837	-1.01785	1
XLOC_013432	XLOC_013432	ARL4C	chr2:235401685-235405693	-1.01739	1
XLOC_018135	XLOC_018135	OR2B6	chr6:27925018-27925960	-1.01643	1
XLOC_002157	XLOC_002157	PIGR	chr1:207101866-207119811	-1.0147	1
XLOC_014817	XLOC_014817	SLC16A8	chr22:38474143-38479170	-1.0111	1
XLOC_004211	XLOC_004211	PRG2	chr11:57154833-57158130	-1.00951	1
XLOC_020537	XLOC_020537	FKBP6	chr7:72742154-72772641	-1.00504	1
XLOC_023975	XLOC_023975	XKRX	chrX:100168430-100183898	-1.00233	1
XLOC_002765	XLOC_002765	DPYSL4	chr10:134000413-134019280	-1.00226	1
XLOC_005388	XLOC_005388	PRICKLE1	chr12:42852139-42983572	-1.00165	1
XLOC_022963	XLOC_022963	HIATL2	chr9:99708326-99775862	-0.998079	0.867056
XLOC_004846	XLOC_004846	METTL7A	chr12:51318533-51326300	-0.992461	1
XLOC_000175	XLOC_000175	MDS2	chr1:23953823-23967056	-0.992047	1
XLOC_002433	XLOC_002433	ALOX5	chr10:45869623-45941567	-0.991281	1
XLOC_001854	XLOC_001854	S100A4	chr1:153516094-153518282	-0.989525	0.999791
XLOC_021550	XLOC_021550	GPR124	chr8:37654400-37707431	-0.9852	1
XLOC_015453	XLOC_015453	KCNMB2-IT1	chr3:178136988-178175093	-0.984945	1
XLOC_012510	XLOC_012510	CYBRD1	chr2:172378756-172414643	-0.983856	1
XLOC_011878	XLOC_011878	KLK1	chr19:51322403-51327043	-0.983522	1
XLOC_020809	XLOC_020809	TMEM139	chr7:142982039-142985141	-0.981733	1
XLOC_018376	XLOC_018376	RIMS1	chr6:72596405-73112845	-0.981406	1
XLOC_011532	XLOC_011532	KIAA1683	chr19:18367905-18385319	-0.978921	1
XLOC_003287	XLOC_003287	TRIM34,TRIM6,TRIM6-TRIM34	chr11:5617330-5665625	-0.978832	0.274877
XLOC_007429	XLOC_007429	SYNM	chr15:99645285-99675800	-0.97697	1
XLOC_012505	XLOC_012505	SP5	chr2:171571856-171574498	-0.976061	0.654702
XLOC_003921	XLOC_003921	ST14	chr11:130029681-130080257	-0.973525	1
XLOC_011997	XLOC_011997	FKBP1AP1	chr19:58336666-58338830	-0.972455	1
XLOC_002228	XLOC_002228	TRIM17	chr1:228595635-228604583	-0.969007	1
XLOC_010436	XLOC_010436	ELANE	chr19:852290-856246	-0.966673	1
XLOC_013287	XLOC_013287	DNAH7	chr2:196602426-196933536	-0.966294	1
XLOC_009025	XLOC_009025	LRRC37A11P	chr17:37186158-37209458	-0.966262	1
XLOC_011066	XLOC_011066	CD33	chr19:51728334-51734274	-0.964877	1
XLOC_022905	XLOC_022905	SLC28A3	chr9:86890764-86983413	-0.96345	1
XLOC_022864	XLOC_022864	FOXD4L6	chr9:69199479-69202204	-0.963344	1
XLOC_006313	XLOC_006313	COCH	chr14:31343740-31359822	-0.963134	1
XLOC_017988	XLOC_017988	COL23A1	chr5:177664616-178017566	-0.961498	1
XLOC_009714	XLOC_009714	KRT34	chr17:39533920-39538636	-0.959248	1
XLOC_003174	XLOC_003174	CPXM2	chr10:125505151-125651500	-0.957857	1
XLOC_004686	XLOC_004686	RPL13P5	chr12:6993144-6993768	-0.95662	0.934472
XLOC_012717	XLOC_012717	SCARNA6	chr2:234160216-234204320	-0.954761	1
XLOC_021867	XLOC_021867	DEFB134	chr8:11851488-11853760	-0.954515	1
XLOC_019149	XLOC_019149	RGS17	chr6:153332031-153452389	-0.953584	1
XLOC_018733	XLOC_018733	RNF39	chr6:30034931-30043628	-0.952787	1
XLOC_022869	XLOC_022869	PGM5-AS1	chr9:70970108-71145977	-0.952538	1
XLOC_010154	XLOC_010154	HRH4	chr18:22040592-22059921	-0.952422	1
XLOC_013630	XLOC_013630	CNBD2	chr20:34556528-34618622	-0.948673	1
XLOC_015434	XLOC_015434	SERPINI1	chr3:167453431-167543357	-0.947928	1
XLOC_006996	XLOC_006996	GPR132	chr14:105515736-105531754	-0.947335	1
XLOC_002732	XLOC_002732	BTBD16	chr10:124030820-124097676	-0.947126	1
XLOC_018839	XLOC_018839	PXT1	chr6:36358328-36458315	-0.944153	1
XLOC_001970	XLOC_001970	PVRL4	chr1:161040780-161059385	-0.941278	1
XLOC_020953	XLOC_020953	MACC1	chr7:20174278-20257013	-0.940452	1
XLOC_006691	XLOC_006691	NDRG2	chr14:21484921-21493935	-0.938089	1
XLOC_015301	XLOC_015301	KALRN	chr3:123813557-124440036	-0.932423	1
XLOC_009266	XLOC_009266	GPRC5C	chr17:72427666-72443658	-0.928788	0.886909
XLOC_017398	XLOC_017398	SH3RF2	chr5:145316125-145442879	-0.928117	0.190205
XLOC_012618	XLOC_012618	IDH1-AS1	chr2:209119956-209120918	-0.925264	0.999791
XLOC_001359	XLOC_001359	IL22RA1	chr1:24446260-24469775	-0.922569	0.246563
XLOC_018870	XLOC_018870	USP49	chr6:41765382-41863099	-0.921888	1

XLOC_004707	XLOC_004707	ZNF705A	chr12:8325149-8332642	-0.921212	1
XLOC_004893	XLOC_004893	PDE1B	chr12:54943176-54973023	-0.92094	1
XLOC_018099	XLOC_018099	HIST1H2BD	chr6:26158348-26171576	-0.915476	0.0760821
XLOC_014154	XLOC_014154	KCNE2	chr21:35736322-35743440	-0.915048	1
XLOC_014730	XLOC_014730	POM121L10P	chr22:25028881-25055114	-0.914955	1
XLOC_021306	XLOC_021306	OPN1SW	chr7:128379345-128415844	-0.913811	1
XLOC_003980	XLOC_003980	SNORA54	chr11:2965659-3013607	-0.912304	0.999791
XLOC_017766	XLOC_017766	NREP	chr5:110834021-111353003	-0.911599	1
XLOC_005815	XLOC_005815	C1QTNF9	chr13:24883715-24896669	-0.910741	1
XLOC_005838	XLOC_005838	ALOX5AP	chr13:31287614-31338565	-0.908163	1
XLOC_020543	XLOC_020543	CLDN4	chr7:73245192-73247015	-0.906079	1
XLOC_009788	XLOC_009788	SPATA32	chr17:43325302-43394414	-0.905923	1
XLOC_005457	XLOC_005457	KRT80	chr12:52562779-52585784	-0.905877	0.0760821
XLOC_003064	XLOC_003064	LOC728558	chr10:97471535-97494992	-0.90305	1
XLOC_012685	XLOC_012685	DAW1	chr2:228736326-228789026	-0.901969	1
XLOC_012532	XLOC_012532	HOXD1	chr2:177037923-177055635	-0.901808	1
XLOC_008908	XLOC_008908	EPN2-IT1	chr17:19140689-19240028	-0.901458	1
XLOC_018737	XLOC_018737	HCG17	chr6:30201815-30314635	-0.900292	1
XLOC_005320	XLOC_005320	LOH12CR2	chr12:12508341-12510001	-0.89916	1
XLOC_013663	XLOC_013663	SGK2	chr20:42187634-42214273	-0.898942	1
XLOC_016747	XLOC_016747	SRD5A3-AS1	chr4:56212387-56251747	-0.898905	1
XLOC_005904	XLOC_005904	SERPINE3	chr13:51915167-52022725	-0.89615	1
XLOC_021955	XLOC_021955	LOC728024	chr8:37594096-37615319	-0.896015	1
XLOC_007346	XLOC_007346	KIAA1199	chr15:81071711-81243999	-0.895008	1
XLOC_003046	XLOC_003046	ANKRD1	chr10:92671856-92681032	-0.894979	0.64943
XLOC_020813	XLOC_020813	EPHA1-AS1	chr7:143078359-143220540	-0.894553	1
XLOC_006421	XLOC_006421	SMOC1	chr14:70346113-70499083	-0.890514	1
XLOC_020633	XLOC_020633	LOC100289187	chr7:99195901-99208456	-0.889677	0.372926
XLOC_017624	XLOC_017624	DAB2	chr5:39371775-39425335	-0.888408	1
XLOC_008342	XLOC_008342	IGFALS	chr16:1840413-1844909	-0.888078	1
XLOC_018685	XLOC_018685	HIST1H1D	chr6:26234439-26235216	-0.887659	0.886909
XLOC_022158	XLOC_022158	LOC100131726	chr8:124194751-124222318	-0.887393	1
XLOC_023076	XLOC_023076	NRON	chr9:129089122-129269320	-0.883231	1
XLOC_015847	XLOC_015847	IMPG2	chr3:100941389-101039419	-0.880513	1
XLOC_006304	XLOC_006304	NFATC4	chr14:24836144-24848810	-0.878336	0.28478
XLOC_014437	XLOC_014437	TMEM191C	chr22:21821458-21824224	-0.877566	0.999791
XLOC_020409	XLOC_020409	HOXA-AS3	chr7:27179982-27196296	-0.877293	1
XLOC_002197	XLOC_002197	HHIPL2	chr1:222695601-222721444	-0.876527	1
XLOC_016914	XLOC_016914	NDNF	chr4:121956781-121993673	-0.87491	1
XLOC_013636	XLOC_013636	C20orf118	chr20:35504569-35580246	-0.873775	1
XLOC_020553	XLOC_020553	NCF1	chr7:74188308-74203659	-0.872159	1
XLOC_016749	XLOC_016749	PDCL2	chr4:56422691-56458379	-0.871613	1
XLOC_005392	XLOC_005392	NELL2	chr12:44902057-45307711	-0.87085	1
XLOC_004511	XLOC_004511	SLN	chr11:107578100-107582787	-0.869092	1
XLOC_003562	XLOC_003562	SNORA57	chr11:62430288-62441162	-0.868128	0.999791
XLOC_013618	XLOC_013618	MAP1LC3A	chr20:33134687-33148149	-0.867108	1
XLOC_022737	XLOC_022737	SCARNA8	chr9:19053134-19102940	-0.865996	0.999791
XLOC_015554	XLOC_015554	SSUH2	chr3:8661085-8693764	-0.865453	1
XLOC_000895	XLOC_000895	GPR52	chr1:174128551-174964445	-0.861542	1
XLOC_004468	XLOC_004468	SNORA18	chr11:93466631-93466763	-0.860753	0.999791
XLOC_012540	XLOC_012540	TTN-AS1	chr2:179059207-179672150	-0.860511	1
XLOC_006290	XLOC_006290	DHRS4L1	chr14:24505709-24520580	-0.860177	1
XLOC_012439	XLOC_012439	TUBA3D	chr2:132202795-132360468	-0.858824	1
XLOC_021463	XLOC_021463	SLC35G5	chr8:11188494-11189695	-0.857802	1
XLOC_014505	XLOC_014505	TCN2	chr22:31003069-31023047	-0.857404	1
XLOC_017237	XLOC_017237	FAM81B	chr5:94727047-94786144	-0.856961	1
XLOC_018681	XLOC_018681	HIST1H2BC	chr6:26123694-26124132	-0.855989	0.999791
XLOC_015291	XLOC_015291	CSTA	chr3:122044010-122060815	-0.855185	0.999791
XLOC_010778	XLOC_010778	FXYD7	chr19:35634153-35645205	-0.85431	1
XLOC_011870	XLOC_011870	ASPDH	chr19:51014856-51017947	-0.853334	1
XLOC_018218	XLOC_018218	CYP21A2	chr6:31973358-31981050	-0.853031	1
XLOC_020657	XLOC_020657	EPO	chr7:100318422-100321323	-0.845694	1
XLOC_001204	XLOC_001204	ANKRD65	chr1:1353799-1356824	-0.844822	1
XLOC_017776	XLOC_017776	CDO1	chr5:115140429-115152405	-0.844684	1
XLOC_014089	XLOC_014089	ZNF512B	chr20:62571181-62601223	-0.842165	1
XLOC_011831	XLOC_011831	KCNA7	chr19:49570674-49576198	-0.841019	1
XLOC_011867	XLOC_011867	NAPSA	chr19:50861733-50868931	-0.840785	1
XLOC_011620	XLOC_011620	LINC00665	chr19:36803962-36822620	-0.839919	1
XLOC_012299	XLOC_012299	GGT8P	chr2:91963367-91970153	-0.837257	1
XLOC_006008	XLOC_006008	LOC100506394	chr13:114567149-114569805	-0.837096	1
XLOC_011794	XLOC_011794	SLC8A2	chr19:47931278-47975307	-0.836046	1
XLOC_005114	XLOC_005114	OAS2	chr12:113416273-113449528	-0.835562	1
XLOC_014746	XLOC_014746	ZNRF3-AS1	chr22:29279754-29453476	-0.835311	1
XLOC_023181	XLOC_023181	CLIC3	chr9:139889059-139891024	-0.834011	1
XLOC_024207	XLOC_024207	CLIC2	chrX:154505499-154563986	-0.833342	1
XLOC_008087	XLOC_008087	FLJ26245, RNA5SP411	chr16:34980893-34990995	-0.830022	1
XLOC_018456	XLOC_018456	TPH1P3	chr6:116262692-116381921	-0.826971	1
XLOC_021339	XLOC_021339	ATP6V0A4	chr7:138391038-138490769	-0.826062	1
XLOC_018707	XLOC_018707	HIST1H2AM	chr6:27860476-27860963	-0.825903	0.790746

XLOC_000980	XLOC_000980	LOC148709	chr1:202830881-202844369	-0.825878	1
XLOC_005165	XLOC_005165	LOC100507091	chr12:123468026-123594975	-0.82417	1
XLOC_006639	XLOC_006639	EXOC3L4	chr14:103566480-103576894	-0.823541	1
XLOC_003048	XLOC_003048	LOC100188947	chr10:93066718-93371217	-0.822005	1
XLOC_009887	XLOC_009887	LOC645638	chr17:58160926-58165828	-0.821102	1
XLOC_021819	XLOC_021819	ANGPT2	chr8:6264112-6501140	-0.818291	1
XLOC_006838	XLOC_006838	RTN1	chr14:60062693-60337557	-0.818268	1
XLOC_008556	XLOC_008556	MYLK3	chr16:46736193-46782221	-0.81683	1
XLOC_017366	XLOC_017366	VTRNA1-3	chr5:140105743-140105831	-0.816469	0.999791
XLOC_013800	XLOC_013800	LINC00266-1	chr20:62921737-62934707	-0.814722	1
XLOC_017893	XLOC_017893	PDGFRB	chr5:149493401-149535422	-0.814082	1
XLOC_015094	XLOC_015094	FBXW12	chr3:48413708-48436190	-0.810761	1
XLOC_016330	XLOC_016330	ARL9	chr4:57371374-57390058	-0.810481	1
XLOC_010362	XLOC_010362	SNORD58C	chr18:47007547-47018935	-0.810173	0.999791
XLOC_006501	XLOC_006501	COX8C	chr14:93799564-94173689	-0.809394	1
XLOC_009463	XLOC_009463	SOX15	chr17:7466964-7493488	-0.807921	0.999791
XLOC_011610	XLOC_011610	NPHS1	chr19:36316273-36342895	-0.807738	1
XLOC_008454	XLOC_008454	ACSM1	chr16:20634558-20702578	-0.807248	1
XLOC_004009	XLOC_004009	HBBP1	chr11:5263184-5264822	-0.806341	1
XLOC_008962	XLOC_008962	SH3GL1P2	chr17:28903482-28964484	-0.806283	1
XLOC_020645	XLOC_020645	PVRIG	chr7:99775537-99869855	-0.806046	1
XLOC_011833	XLOC_011833	HRC	chr19:49654455-49658681	-0.805382	1
XLOC_008182	XLOC_008182	C16orf86	chr16:67700716-67702661	-0.804811	0.999791
XLOC_004715	XLOC_004715	A2M-AS1	chr12:9217772-9268558	-0.803306	1
XLOC_023427	XLOC_023427	PAGE2B	chrX:55101488-55105336	-0.802424	1
XLOC_021327	XLOC_021327	AKR1B1	chr7:134127106-134143888	-0.801383	1
XLOC_007902	XLOC_007902	LOC100128770	chr16:3077867-3089133	-0.800784	1
XLOC_010960	XLOC_010960	DACT3-AS1	chr19:47150868-47220384	-0.800674	1
XLOC_021991	XLOC_021991	OPRK1	chr8:54138275-54164194	-0.799848	1
XLOC_023255	XLOC_023255	WWC3	chrX:9983794-10112518	-0.798245	1
XLOC_014823	XLOC_014823	KCNJ4	chr22:38822332-38851205	-0.797836	1
XLOC_007735	XLOC_007735	GOLGA6L10	chr15:82633122-82641706	-0.795681	1
XLOC_016950	XLOC_016950	HHIP-AS1	chr4:145564067-145659881	-0.794368	1
XLOC_011649	XLOC_011649	LGALS4	chr19:39292310-39303740	-0.79347	1
XLOC_017335	XLOC_017335	TGFBI	chr5:135364583-135399507	-0.791806	1
XLOC_013918	XLOC_013918	DUSP15	chr20:30448869-30458479	-0.786519	1
XLOC_015882	XLOC_015882	ZBTB20	chr3:114056946-114866127	-0.783909	1
XLOC_011829	XLOC_011829	CGB7	chr19:49557530-49558997	-0.782347	0.999791
XLOC_003974	XLOC_003974	TRPM5	chr11:2425745-2444275	-0.781079	1
XLOC_004407	XLOC_004407	LIPT2	chr11:74202922-74204755	-0.780091	0.886909
XLOC_021283	XLOC_021283	FEZF1	chr7:121941447-121950131	-0.777927	1
XLOC_003352	XLOC_003352	MRGPRX3	chr11:18142501-18160027	-0.77776	1
XLOC_017094	XLOC_017094	PDZD2	chr5:31799030-32111038	-0.77161	1
XLOC_004530	XLOC_004530	C11orf34	chr11:112118875-112131583	-0.771167	1
XLOC_000833	XLOC_000833	FCGR2B	chr1:161632904-161648444	-0.770394	1
XLOC_000848	XLOC_000848	PBX1	chr1:164528596-164821060	-0.767643	1
XLOC_011529	XLOC_011529	RAB3A	chr19:18307610-18314874	-0.76764	0.266483
XLOC_018728	XLOC_018728	HLA-F-AS1	chr6:29691116-29716826	-0.767318	0.999791
XLOC_009063	XLOC_009063	KLHL10	chr17:39994042-40004599	-0.766117	1
XLOC_013915	XLOC_013915	HM13-AS1	chr20:30102240-30161066	-0.764488	1
XLOC_023527	XLOC_023527	BHLHB9	chrX:101975641-102007369	-0.764137	1
XLOC_014361	XLOC_014361	LRRC3-AS1	chr21:45870868-45875167	-0.763403	1
XLOC_002539	XLOC_002539	BEND3P3	chr10:81442730-81448650	-0.762901	1
XLOC_018121	XLOC_018121	HIST1H2AH	chr6:27114860-27115341	-0.762392	0.999791
XLOC_008276	XLOC_008276	FOXL1	chr16:86612114-86615304	-0.761928	1
XLOC_009233	XLOC_009233	SNORA76	chr17:62223698-62228331	-0.761642	0.999791
XLOC_003788	XLOC_003788	BIRC3	chr11:102188180-102210135	-0.759101	0.207365
XLOC_004150	XLOC_004150	LOC100507300	chr11:43902356-43942494	-0.758999	1
XLOC_008661	XLOC_008661	TAT	chr16:71600753-71610998	-0.758912	1
XLOC_005835	XLOC_005835	MTUS2	chr13:29598747-30080084	-0.757174	1
XLOC_007377	XLOC_007377	ALPK3	chr15:85359910-85416713	-0.754027	1
XLOC_008910	XLOC_008910	RNF112	chr17:19314490-19320589	-0.751531	0.873023
XLOC_010646	XLOC_010646	SYDE1	chr19:15218213-15236577	-0.748532	1
XLOC_012666	XLOC_012666	ASIC4	chr2:220378891-220403494	-0.748003	1
XLOC_001487	XLOC_001487	SLFNL1	chr1:41480261-41707815	-0.747653	1
XLOC_021135	XLOC_021135	MAGI2	chr7:77646373-79100524	-0.747098	1
XLOC_022866	XLOC_022866	FOXD4L5	chr9:70175706-70178815	-0.747051	1
XLOC_008923	XLOC_008923	MTRNR2L1	chr17:22022436-22023991	-0.744745	0.648523
XLOC_014589	XLOC_014589	CSDC2	chr22:41957013-41972670	-0.743336	1
XLOC_021286	XLOC_021286	RNF148	chr7:121958477-122526813	-0.742897	1
XLOC_023577	XLOC_023577	LUZP4	chrX:114524291-114542121	-0.742179	1
XLOC_001195	XLOC_001195	FAM132A	chr11:1177825-1182102	-0.742175	0.999791
XLOC_015288	XLOC_015288	SLC15A2	chr3:121613170-121663034	-0.741789	1
XLOC_018683	XLOC_018683	HIST1H2AD,HIST1H3D	chr6:26197011-26199521	-0.741509	0.900068
XLOC_007813	XLOC_007813	HBA2	chr16:222845-223709	-0.741435	0.999791
XLOC_018516	XLOC_018516	PDE7B	chr6:136172833-136516709	-0.740799	1
XLOC_010274	XLOC_010274	LOC727896	chr18:2916991-3011945	-0.738992	1
XLOC_009843	XLOC_009843	COL1A1	chr17:48261456-48279000	-0.737375	1
XLOC_007701	XLOC_007701	CSPG4	chr15:75966662-76005189	-0.735724	1

XLOC_021271	XLOC_021271	GPR85	chr7:112720467-112727833	-0.735202	1
XLOC_023955	XLOC_023955	PGAM4	chrX:77166193-77305892	-0.73489	1
XLOC_007278	XLOC_007278	LOC145837	chr15:69854058-69863779	-0.731349	1
XLOC_005309	XLOC_005309	TAS2R46	chr12:10998447-11328619	-0.728311	1
XLOC_003777	XLOC_003777	ENDOD1	chr11:94822973-94865815	-0.727889	0.439127
XLOC_023286	XLOC_023286	PPEF1	chrX:18709044-18846034	-0.724202	1
XLOC_002168	XLOC_002168	SERTAD4-AS1	chr1:210404803-210416440	-0.722682	0.598908
XLOC_002954	XLOC_002954	RHOBTB1	chr10:62629197-62761198	-0.718456	0.244149
XLOC_016798	XLOC_016798	PPEF2	chr4:76781025-76823681	-0.716967	1
XLOC_013265	XLOC_013265	CERKL	chr2:182321618-182521834	-0.715542	1
XLOC_002980	XLOC_002980	UNC5B-AS1	chr10:72972291-73062635	-0.714911	0.999791
XLOC_006153	XLOC_006153	DACH1	chr13:72012097-72441330	-0.711274	1
XLOC_004097	XLOC_004097	TPH1	chr11:18042083-18062335	-0.712535	1
XLOC_011805	XLOC_011805	CCDC114	chr19:48799708-48823332	-0.712443	1
XLOC_006814	XLOC_006814	FERMT2	chr14:53323988-53417815	-0.711056	1
XLOC_008562	XLOC_008562	ABCC11	chr16:48200821-48269088	-0.709292	1
XLOC_000642	XLOC_000642	ITGA10	chr1:145524989-145543868	-0.707827	1
XLOC_018826	XLOC_018826	SPDEF	chr6:34505578-34524110	-0.70734	1
XLOC_009162	XLOC_009162	TMEM92	chr17:48348766-48358846	-0.70501	1
XLOC_010338	XLOC_010338	LINC00669	chr18:36786887-37331959	-0.702927	0.680311
XLOC_011345	XLOC_011345	FUT3	chr19:5842898-5851485	-0.697604	1
XLOC_011724	XLOC_011724	LYPD3	chr19:43964945-43969831	-0.696817	0.999791
XLOC_003229	XLOC_003229	EPS8L2	chr11:706119-727727	-0.695444	0.420675
XLOC_022433	XLOC_022433	LOC100128076	chr9:94895115-94900911	-0.695069	1
XLOC_009257	XLOC_009257	SSTR2	chr17:71161159-71168062	-0.69424	1
XLOC_013213	XLOC_013213	GALNT3	chr2:166604312-166650803	-0.694222	1
XLOC_001253	XLOC_001253	GPR157	chr1:9164475-9189229	-0.689132	1
XLOC_011881	XLOC_011881	KLK4	chr19:51409607-51413994	-0.688827	1
XLOC_021725	XLOC_021725	COLEC10	chr8:120079423-120119202	-0.688818	1
XLOC_021193	XLOC_021193	CYP3A5	chr7:99245812-99277621	-0.688628	1
XLOC_022770	XLOC_022770	LRRC19	chr9:26903367-27062931	-0.688085	1
XLOC_010267	XLOC_010267	C18orf56	chr18:596997-712662	-0.687849	0.999791
XLOC_006118	XLOC_006118	LINC00441	chr13:48870648-48877797	-0.684398	1
XLOC_000137	XLOC_000137	PADI3	chr1:17575592-17610727	-0.684066	1
XLOC_022508	XLOC_022508	KIAA1958	chr9:115249247-115422706	-0.683933	0.624111
XLOC_004463	XLOC_004463	SNORA32	chr11:93464144-93464265	-0.683916	0.999791
XLOC_015637	XLOC_015637	SCN11A	chr3:38887259-38992052	-0.683846	1
XLOC_005308	XLOC_005308	TAS2R31	chr12:10998447-11328619	-0.683521	1
XLOC_013369	XLOC_013369	IHH	chr2:219919141-219925238	-0.682914	1
XLOC_011365	XLOC_011365	FLJ25758	chr19:7004963-7006426	-0.682873	1
XLOC_007879	XLOC_007879	ABCA17P	chr16:2390922-2476700	-0.682043	1
XLOC_004041	XLOC_004041	GVINP1	chr11:6734380-6743110	-0.68078	1
XLOC_013227	XLOC_013227	LOC440925	chr2:171568948-171571077	-0.680654	1
XLOC_018162	XLOC_018162	HCG9	chr6:29942891-29946177	-0.680359	1
XLOC_004777	XLOC_004777	SSPN	chr12:26348268-26387708	-0.678888	1
XLOC_015237	XLOC_015237	ZPLD1	chr3:102153858-102198685	-0.678325	1
XLOC_001793	XLOC_001793	HIST2H2AB	chr1:149859018-149859466	-0.677607	1
XLOC_004681	XLOC_004681	GPR162	chr12:6930962-6936583	-0.677396	0.304629
XLOC_006355	XLOC_006355	PTGER2	chr14:52781015-52795322	-0.676255	1
XLOC_017765	XLOC_017765	STARD4	chr5:110834021-111353003	-0.67625	0.266089
XLOC_021368	XLOC_021368	EPHA1	chr7:143078359-143220540	-0.674918	1
XLOC_012454	XLOC_012454	HNMT	chr2:138721807-138773934	-0.673563	1
XLOC_011891	XLOC_011891	KLK14	chr19:51581153-51587502	-0.672627	1
XLOC_015870	XLOC_015870	CCDC80	chr3:112323408-112359977	-0.672508	0.202441
XLOC_002899	XLOC_002899	C10orf10	chr10:45455218-45490172	-0.672392	1
XLOC_014354	XLOC_014354	LINC00313	chr21:44881973-44898103	-0.672123	1
XLOC_008078	XLOC_008078	SLC5A2	chr16:31494438-31519706	-0.671498	1
XLOC_017837	XLOC_017837	GFRA3	chr5:137588068-137610253	-0.671489	1
XLOC_009550	XLOC_009550	SLC47A2	chr17:19581627-19620043	-0.669566	1
XLOC_002143	XLOC_002143	LEMD1	chr1:205342379-205391214	-0.668872	1
XLOC_012641	XLOC_012641	C2orf62	chr2:219221578-219232817	-0.667222	1
XLOC_018120	XLOC_018120	HIST1H4I	chr6:27106071-27114637	-0.666445	0.999791
XLOC_018141	XLOC_018141	NKAPL	chr6:28227074-28228736	-0.666182	1
XLOC_000425	XLOC_000425	L1TD1	chr1:62660473-62678001	-0.665768	1
XLOC_017454	XLOC_017454	FABP6	chr5:159614373-159665729	-0.665392	0.216036
XLOC_014533	XLOC_014533	APOL6	chr22:36044423-36064456	-0.665203	1
XLOC_018213	XLOC_018213	C2	chr6:31865561-31913449	-0.665154	1
XLOC_012050	XLOC_012050	ATP6V1C2	chr2:10861774-10952960	-0.663094	1
XLOC_011526	XLOC_011526	INSL3	chr19:17927321-17932383	-0.662357	1
XLOC_004158	XLOC_004158	CHRM4	chr1:46406639-46408107	-0.65996	1
XLOC_008825	XLOC_008825	SNORD10	chr17:7465308-7482324	-0.658524	0.999791
XLOC_000755	XLOC_000755	TRIM46	chr1:155146262-155157447	-0.658183	1
XLOC_003015	XLOC_003015	ZMIZ1-AS1	chr10:80703082-80827205	-0.658083	1
XLOC_012664	XLOC_012664	SPEG	chr2:220299699-220358354	-0.657934	1
XLOC_010310	XLOC_010310	OSBPL1A	chr18:21742010-21977833	-0.657237	0.06575
XLOC_000977	XLOC_000977	PPP1R12B	chr1:202317829-202557697	-0.657193	0.445803
XLOC_019080	XLOC_019080	CTAGE9	chr6:131958441-132068550	-0.656806	1
XLOC_016626	XLOC_016626	SLC26A1	chr4:972862-998317	-0.656582	0.999791
XLOC_020816	XLOC_020816	CTAGE15P	chr7:143268893-143271480	-0.656467	1

XLOC_007520	XLOC_007520	EXD1	chr15:41474930-41522895	-0.656399	1
XLOC_017388	XLOC_017388	PCDHGB8P	chr5:140710251-140892548	-0.656157	1
XLOC_014080	XLOC_014080	SRMS	chr20:62172162-62178857	-0.655926	1
XLOC_021945	XLOC_021945	LOC100128750	chr8:30239634-30429734	-0.655515	0.999791
XLOC_011235	XLOC_011235	ZNF586	chr19:58281019-58291984	-0.65425	0.891812
XLOC_015649	XLOC_015649	CCDC13	chr3:42749873-42814745	-0.653693	1
XLOC_017373	XLOC_017373	PCDHB6	chr5:140529838-140532868	-0.653193	1
XLOC_001696	XLOC_001696	GNAT2	chr1:110145888-110155705	-0.652246	1
XLOC_015066	XLOC_015066	TGM4	chr3:44916097-44956088	-0.652089	1
XLOC_021809	XLOC_021809	TMED10P1	chr8:146198974-146231432	-0.651621	1
XLOC_010523	XLOC_010523	CRB3	chr19:6464259-6481798	-0.649667	0.999791
XLOC_007106	XLOC_007106	WHAMMP2	chr15:28982728-29003508	-0.648127	1
XLOC_020360	XLOC_020360	ANKRD61	chr7:6048881-6098860	-0.64757	1
XLOC_003197	XLOC_003197	TCERG1L	chr10:132890654-133109984	-0.647324	1
XLOC_002409	XLOC_002409	LOC100129055	chr10:38464598-38503273	-0.647275	1
XLOC_013309	XLOC_013309	ALS2CR12	chr2:202153146-202222101	-0.647216	1
XLOC_018776	XLOC_018776	SLC44A4	chr6:31830969-31846823	-0.642731	1
XLOC_000157	XLOC_000157	LOC100506801	chr1:21543739-21672034	-0.642563	1
XLOC_018470	XLOC_018470	BRD7P3	chr6:118781934-119031238	-0.642227	1
XLOC_013466	XLOC_013466	BOK-AS1	chr2:242483800-242513553	-0.64092	1
XLOC_013108	XLOC_013108	FLJ42351	chr2:113399406-113401757	-0.640252	0.999791
XLOC_007830	XLOC_007830	WFIKN1	chr16:681011-684116	-0.640194	1
XLOC_001646	XLOC_001646	FLJ27354	chr1:90090407-90098453	-0.63945	0.999791
XLOC_006770	XLOC_006770	PTCSC3	chr14:36539632-36645857	-0.638867	1
XLOC_018948	XLOC_018948	B3GAT2	chr6:71377478-71666788	-0.636466	0.999791
XLOC_011360	XLOC_011360	TNFSF14	chr19:6663147-6670599	-0.636162	1
XLOC_002313	XLOC_002313	PRR26	chr10:320129-735608	-0.634407	1
XLOC_018551	XLOC_018551	LOC100652739	chr6:150139893-150244214	-0.631535	1
XLOC_017211	XLOC_017211	CMYA5	chr5:78985658-79096049	-0.630983	1
XLOC_012105	XLOC_012105	GCKR	chr2:27719705-27746550	-0.630375	1
XLOC_020975	XLOC_020975	HOXA2	chr7:27139972-27142394	-0.627562	1
XLOC_014727	XLOC_014727	ADORA2A-AS1	chr22:24823529-24890783	-0.625839	1
XLOC_002052	XLOC_002052	RASAL2-AS1	chr1:178060642-178448648	-0.625574	1
XLOC_007845	XLOC_007845	CACNA1H	chr16:1203240-1275254	-0.625291	1
XLOC_010817	XLOC_010817	ZNF790-AS1	chr19:37288451-37407193	-0.624934	1
XLOC_019193	XLOC_019193	MLLT4-AS1	chr6:168224569-168227476	-0.624364	1
XLOC_011017	XLOC_011017	DKKL1	chr19:49866986-49878373	-0.623172	0.999791
XLOC_014208	XLOC_014208	C21orf90	chr21:45917774-46131495	-0.623088	0.999791
XLOC_019124	XLOC_019124	LOC285740	chr6:143875466-143890476	-0.62073	1
XLOC_007746	XLOC_007746	FSD2	chr15:83428023-83474806	-0.619832	1
XLOC_009592	XLOC_009592	CORO6	chr17:27920526-27948441	-0.619658	1
XLOC_017242	XLOC_017242	C5orf27	chr5:95187935-95195836	-0.619605	1
XLOC_013906	XLOC_013906	NCOR1P1	chr20:26084051-26094677	-0.619581	1
XLOC_020711	XLOC_020711	ST7-OT4	chr7:116592500-116870075	-0.619337	1
XLOC_023551	XLOC_023551	CLDN2	chrX:106143292-106174091	-0.618671	1
XLOC_000265	XLOC_000265	HPCA	chr1:33352097-33366953	-0.618238	1
XLOC_007434	XLOC_007434	ALDH1A3	chr15:101420008-101456830	-0.618199	1
XLOC_023183	XLOC_023183	FUT7	chr9:139901685-139931234	-0.617329	1
XLOC_001787	XLOC_001787	HIST2H3D	chr1:149784779-149785236	-0.613766	0.999791
XLOC_000883	XLOC_000883	DNM3	chr1:171810620-172381857	-0.613208	1
XLOC_008008	XLOC_008008	AQP8	chr16:25228284-25240253	-0.612649	1
XLOC_017449	XLOC_017449	LSM11	chr5:157170754-157183746	-0.611729	0.404265
XLOC_012032	XLOC_012032	COLEC11	chr2:3642421-3692234	-0.611404	0.967815
XLOC_003137	XLOC_003137	RPL13AP6	chr10:112679300-112773425	-0.610752	0.999791
XLOC_012639	XLOC_012639	GPBAR1	chr2:219125737-219128582	-0.610541	1
XLOC_018123	XLOC_018123	PRSS16	chr6:27215501-27224399	-0.609842	0.28478
XLOC_011872	XLOC_011872	SYT3	chr19:51125233-51143092	-0.609287	1
XLOC_016278	XLOC_016278	PTTG2	chr4:37892704-38140796	-0.608854	1
XLOC_001759	XLOC_001759	LINC00623,LOC728875	chr1:144300511-144341755	-0.608594	0.999791
XLOC_009031	XLOC_009031	TCAP	chr17:37821598-37822807	-0.6085	1
XLOC_023755	XLOC_023755	MID1	chrX:10413349-10851809	-0.607022	1
XLOC_020334	XLOC_020334	GPR146	chr7:1036622-1177893	-0.606999	0.999791
XLOC_002137	XLOC_002137	LRRN2	chr1:204586302-204654597	-0.606783	1
XLOC_001655	XLOC_001655	FAM69A	chr1:93297593-93427079	-0.605483	0.999791
XLOC_000547	XLOC_000547	LOC100129138	chr1:104615644-104619693	-0.604992	1
XLOC_018155	XLOC_018155	OR2H2	chr6:29555682-29556745	-0.604871	1
XLOC_018684	XLOC_018684	HIST1H2BG	chr6:26216427-26216872	-0.60461	0.999791
XLOC_014419	XLOC_014419	LOC729444	chr22:20325589-20350461	-0.604438	1
XLOC_011046	XLOC_011046	SIGLEC16	chr19:50472911-50479076	-0.604229	1
XLOC_007733	XLOC_007733	MEX3B	chr15:82334118-82338484	-0.603639	0.676574
XLOC_014573	XLOC_014573	CACNA11	chr22:39966757-40085740	-0.603351	1
XLOC_004173	XLOC_004173	RAPSN	chr11:47459307-47470730	-0.602698	1
XLOC_013028	XLOC_013028	PLGLB2	chr2:87140934-87248973	-0.602103	1
XLOC_016315	XLOC_016315	RASL11B	chr4:53728494-53733002	-0.600947	1
XLOC_023537	XLOC_023537	MORF4L2-AS1	chrX:102930425-102947484	-0.600586	1
XLOC_018098	XLOC_018098	HIST1H1E	chr6:26156558-26157343	-0.599378	0.999791
XLOC_015723	XLOC_015723	UBA7	chr3:49842637-49851391	-0.598941	1
XLOC_001870	XLOC_001870	C1orf189	chr1:154171561-154178841	-0.598818	1
XLOC_014998	XLOC_014998	ZNF860	chr3:31702316-32033228	-0.597714	1

XLOC_018158	XLOC_018158	LOC554223	chr6:29758807-29765584	-0.597371	1
XLOC_023005	XLOC_023005	SVEP1	chr9:113127528-113342160	-0.594923	1
XLOC_022188	XLOC_022188	NDRG1	chr8:134249413-134309547	-0.594891	0.149432
XLOC_008938	XLOC_008938	SPAG5-AS1	chr17:26926150-26927177	-0.5941	0.999791
XLOC_000020	XLOC_000020	TAS1R3	chr11:1266725-1269844	-0.593334	1
XLOC_000457	XLOC_000457	ZRANB2-AS2	chr1:71547006-71703406	-0.59321	1
XLOC_000671	XLOC_000671	CA14	chr1:150230217-150237480	-0.592702	1
XLOC_008378	XLOC_008378	ZSCAN10	chr16:3138894-3142861	-0.592375	1
XLOC_023062	XLOC_023062	ZBTB26	chr9:125680377-125693779	-0.592034	0.857467
XLOC_017895	XLOC_017895	ARSI	chr5:149675908-149682525	-0.591719	1
XLOC_001428	XLOC_001428	FNDC5	chr1:33327868-33338082	-0.590259	1
XLOC_012714	XLOC_012714	INPP5D	chr2:233925035-234116549	-0.590075	1
XLOC_008771	XLOC_008771	SPNS2	chr17:4402128-4458681	-0.589767	0.999791
XLOC_017676	XLOC_017676	ADAMTS6	chr5:64444562-64777704	-0.588617	1
XLOC_007839	XLOC_007839	MSLN	chr16:810764-818865	-0.588389	1
XLOC_002130	XLOC_002130	REN	chr1:204123943-204135465	-0.586896	1
XLOC_022892	XLOC_022892	PRUNE2	chr9:79226291-79521003	-0.586822	1
XLOC_003392	XLOC_003392	CSTF3-AS1	chr11:33183202-33213142	-0.586747	1
XLOC_008379	XLOC_008379	ZNF205-AS1	chr16:3160460-3170518	-0.584838	1
XLOC_010925	XLOC_010925	BCL3	chr19:45251977-45263301	-0.584134	0.215182
XLOC_014406	XLOC_014406	DGCR10	chr22:19010136-19011063	-0.58327	1
XLOC_023935	XLOC_023935	FAM226A	chrX:72161567-72163589	-0.582103	0.999791
XLOC_009227	XLOC_009227	LOC729683	chr17:61777697-61780045	-0.582079	0.999791
XLOC_022052	XLOC_022052	IL7	chr8:79645006-79717758	-0.581032	0.993188
XLOC_001924	XLOC_001924	ETV3	chr1:157094458-157108383	-0.580627	0.999791
XLOC_022156	XLOC_022156	HAS2	chr8:122625270-122657564	-0.578856	0.993188
XLOC_021734	XLOC_021734	FAM83A	chr8:124194751-124222318	-0.578167	1
XLOC_005490	XLOC_005490	NPFF	chr12:53900473-53901422	-0.577897	0.999791
XLOC_007685	XLOC_007685	SEMA7A	chr15:74701629-74726299	-0.577794	1
XLOC_021724	XLOC_021724	SAMD12-AS1	chr8:119201694-119738306	-0.577052	1
XLOC_021110	XLOC_021110	CLDN3	chr7:73183326-73184600	-0.576913	0.999791
XLOC_008882	XLOC_008882	USP32P1	chr17:16690205-16707819	-0.576856	1
XLOC_017197	XLOC_017197	IQGAP2	chr5:75699148-76003957	-0.576855	1
XLOC_001982	XLOC_001982	OLFML2B	chr1:161952981-161993644	-0.576796	0.999791
XLOC_007739	XLOC_007739	GOLGA6L10	chr15:83009406-83018198	-0.575751	1
XLOC_018093	XLOC_018093	HIST1H4A	chr6:26021906-26022278	-0.575423	0.999791
XLOC_003758	XLOC_003758	NAALAD2	chr1:89867817-89925779	-0.572955	1
XLOC_012845	XLOC_012845	FTH1P3	chr2:27604065-27632550	-0.572341	1
XLOC_021284	XLOC_021284	CADPS2	chr7:121958477-122526813	-0.572019	0.519646
XLOC_001190	XLOC_001190	RNF223	chr1:1007125-1009687	-0.570496	1
XLOC_005576	XLOC_005576	LOC100507250	chr12:69068150-69080639	-0.570026	1
XLOC_017699	XLOC_017699	GCNT4	chr5:74323288-74326724	-0.569747	1
XLOC_020687	XLOC_020687	CDHR3	chr7:105603656-105676877	-0.569415	1
XLOC_001152	XLOC_001152	TRIM58	chr1:248020500-248043438	-0.568686	1
XLOC_020615	XLOC_020615	DYNC111	chr7:95401817-95727736	-0.568633	1
XLOC_013981	XLOC_013981	LOC79015	chr20:43285091-43300380	-0.568334	1
XLOC_022323	XLOC_022323	DNAI1	chr9:34458810-34520982	-0.56735	1
XLOC_009957	XLOC_009957	GRIN2C	chr17:72838167-72856007	-0.566159	1
XLOC_003044	XLOC_003044	FLJ37201	chr10:91451056-91457685	-0.566101	1
XLOC_011842	XLOC_011842	RRAS	chr19:50138551-50143400	-0.565988	0.0961594
XLOC_012288	XLOC_012288	ANAPC1P1	chr2:87042459-87122165	-0.565928	1
XLOC_017723	XLOC_017723	SSBP2	chr5:80256507-81047072	-0.565162	0.999791
XLOC_009170	XLOC_009170	CACNA1G	chr17:48633567-48704832	-0.564374	1
XLOC_003006	XLOC_003006	C10orf55	chr10:75669726-75682535	-0.564144	1
XLOC_011602	XLOC_011602	SBSN	chr19:36014268-36019253	-0.563573	1
XLOC_002902	XLOC_002902	OR13A1	chr10:45798101-45811056	-0.563426	1
XLOC_011077	XLOC_011077	FPR3	chr19:52298410-52329334	-0.563105	1
XLOC_018103	XLOC_018103	HIST1H2AE	chr6:26217147-26217711	-0.56106	0.891812
XLOC_006629	XLOC_006629	LINC00239	chr14:102196773-102198862	-0.557452	1
XLOC_008508	XLOC_008508	GDPD3	chr16:30116130-30124878	-0.557028	0.999791
XLOC_007717	XLOC_007717	ACSBG1	chr15:78463186-78527049	-0.55562	1
XLOC_021240	XLOC_021240	RPL19P12	chr7:102715327-102789569	-0.554824	1
XLOC_017020	XLOC_017020	ENPP6	chr4:185009858-185139114	-0.55376	1
XLOC_022678	XLOC_022678	LCN12	chr9:139846767-139849949	-0.553543	1
XLOC_001333	XLOC_001333	KIF17	chr1:20990506-21044317	-0.553423	0.956701
XLOC_016618	XLOC_016618	ZNF732	chr4:264463-289944	-0.553009	1
XLOC_022139	XLOC_022139	TMEM74	chr8:109795345-109799770	-0.551755	1
XLOC_016028	XLOC_016028	LOC730091	chr3:156465131-156534851	-0.551676	1
XLOC_012272	XLOC_012272	TCF7L1	chr2:85360582-85537511	-0.550481	1
XLOC_004546	XLOC_004546	APOA1	chr11:116706468-116708338	-0.550462	1
XLOC_005712	XLOC_005712	IQCD	chr12:113633245-113658880	-0.550118	1
XLOC_004439	XLOC_004439	RAB30	chr11:82692477-82782884	-0.549275	1
XLOC_021099	XLOC_021099	SPDYEBP	chr7:72476588-72519691	-0.549001	1
XLOC_015812	XLOC_015812	LMOD3	chr3:69156038-69171746	-0.547989	1
XLOC_008689	XLOC_008689	MAF	chr16:79627744-79634622	-0.547686	1
XLOC_007323	XLOC_007323	PSTPIP1	chr15:77287464-77329671	-0.547626	1
XLOC_009800	XLOC_009800	RPRML	chr17:45055521-45056614	-0.547502	1
XLOC_012033	XLOC_012033	ALLC	chr2:3705785-3750260	-0.546598	1
XLOC_003211	XLOC_003211	SYCE1	chr10:135367403-135383462	-0.545945	1

XLOC_000432	XLOC_000432	DLEU2L	chr1:63989012-64038364	-0.545495	1
XLOC_015287	XLOC_015287	EAF2	chr3:121554033-121605373	-0.545208	0.956701
XLOC_021171	XLOC_021171	PON3	chr7:94989183-95025687	-0.544702	0.999791
XLOC_019185	XLOC_019185	RPS6KA2	chr6:166822853-167275771	-0.54424	1
XLOC_007554	XLOC_007554	PIN4P1	chr15:44165729-44487429	-0.543348	1
XLOC_000962	XLOC_000962	C1orf106	chr1:200860626-200884864	-0.542711	1
XLOC_016599	XLOC_016599	ANKRD37	chr4:186317839-186347139	-0.5421	0.999791
XLOC_003227	XLOC_003227	DRD4	chr11:637304-640705	-0.541882	0.999791
XLOC_011989	XLOC_011989	DUXA	chr19:57663093-57678856	-0.541276	1
XLOC_016494	XLOC_016494	SPRY1	chr4:124317949-124324915	-0.540585	0.4471
XLOC_004385	XLOC_004385	ALG1L9P	chr11:71498556-71524905	-0.540528	1
XLOC_007378	XLOC_007378	SLC28A1	chr15:85427912-85489027	-0.539885	1
XLOC_022690	XLOC_022690	SLC34A3	chr9:140125208-140131006	-0.538961	1
XLOC_000065	XLOC_000065	ENO1-AS1	chr1:8921058-8939943	-0.538226	0.999791
XLOC_014318	XLOC_014318	CBR3-AS1	chr21:37504064-37528606	-0.537529	0.999791
XLOC_017888	XLOC_017888	IL17B	chr5:148753829-148758838	-0.53644	1
XLOC_021337	XLOC_021337	CREB3L2	chr7:137559724-137688847	-0.53636	0.64943
XLOC_007702	XLOC_007702	DNM1P35	chr15:76016318-76032418	-0.536124	1
XLOC_001576	XLOC_001576	TACSTD2	chr1:59041094-59043166	-0.535831	1
XLOC_001708	XLOC_001708	DENND2D	chr1:11728590-11747160	-0.535432	1
XLOC_015515	XLOC_015515	IL1RAP	chr3:190231839-190374986	-0.534656	0.501099
XLOC_009299	XLOC_009299	PRCD	chr17:74523429-74541458	-0.533732	1
XLOC_017384	XLOC_017384	PCDHB18	chr5:140613937-140617101	-0.533501	1
XLOC_018641	XLOC_018641	C6orf52	chr6:10671650-10695030	-0.532319	0.999791
XLOC_014944	XLOC_014944	IRAK2	chr3:10206562-10285427	-0.532213	0.854021
XLOC_000838	XLOC_000838	NOS1AP	chr1:162039580-162339813	-0.531606	1
XLOC_010272	XLOC_010272	CBX3P2	chr18:2652168-2655394	-0.531462	0.999791
XLOC_004749	XLOC_004749	C12orf60	chr12:14956505-14976791	-0.530629	0.999791
XLOC_010179	XLOC_010179	FHOD3	chr18:33877701-34805288	-0.530555	1
XLOC_022974	XLOC_022974	GABBR2	chr9:101050363-101471479	-0.530544	1
XLOC_018303	XLOC_018303	GNMT	chr6:42928499-42946981	-0.530454	1
XLOC_020698	XLOC_020698	LRRN3	chr7:110303105-111202573	-0.530166	1
XLOC_022534	XLOC_022534	MORN5	chr9:124922189-124962367	-0.529903	1
XLOC_004080	XLOC_004080	DKK3	chr11:11984542-12030917	-0.529896	1
XLOC_022580	XLOC_022580	LCN2	chr9:130911731-130915734	-0.529746	1
XLOC_021032	XLOC_021032	RASA4CP	chr7:44068485-44083895	-0.529694	1
XLOC_016468	XLOC_016468	ENPEP	chr4:111397228-111484493	-0.529034	1
XLOC_000189	XLOC_000189	RHD	chr1:25598980-25656936	-0.528909	1
XLOC_012121	XLOC_012121	CLIP4	chr2:29338307-29406679	-0.528683	1
XLOC_020878	XLOC_020878	INSIG1	chr7:155089485-155101945	-0.527212	0.059175
XLOC_010957	XLOC_010957	HIF3A	chr19:46720994-46846690	-0.524689	1
XLOC_003420	XLOC_003420	CD82	chr11:44587140-44641315	-0.524627	0.910882
XLOC_013271	XLOC_013271	CALCRL	chr2:188206689-188313021	-0.524479	1
XLOC_011914	XLOC_011914	ZNF841	chr19:52567718-52599018	-0.524311	0.28478
XLOC_008927	XLOC_008927	LGALS9	chr17:25958173-25976586	-0.524176	1
XLOC_018945	XLOC_018945	EYS	chr6:64429875-66417118	-0.524098	1
XLOC_018769	XLOC_018769	DDAH2	chr6:31694816-31698039	-0.523948	0.0879628
XLOC_018097	XLOC_018097	HIST1H2AC	chr6:26124372-26124918	-0.523729	0.999791
XLOC_014719	XLOC_014719	DERL3	chr22:24129149-24181199	-0.522228	0.999791
XLOC_023892	XLOC_023892	MTRNR2L10	chrX:55207823-55208944	-0.521654	0.999791
XLOC_000319	XLOC_000319	RIMKLA	chr1:42846467-42889900	-0.520105	0.119609
XLOC_009572	XLOC_009572	ALDOC	chr17:26900132-26903951	-0.519895	0.114315
XLOC_012148	XLOC_012148	ARHGEF33	chr2:39146503-39202590	-0.517666	1
XLOC_023281	XLOC_023281	REPS2	chrX:16964813-17171403	-0.517135	0.891812
XLOC_018654	XLOC_018654	ATXN1	chr6:16299342-16761721	-0.515799	1
XLOC_023982	XLOC_023982	ARMCX2	chrX:100910267-100914863	-0.515066	1
XLOC_011971	XLOC_011971	SHISA7	chr19:55940104-55954230	-0.513812	1
XLOC_007441	XLOC_007441	HERC2P3	chr15:20613649-20711433	-0.513265	0.956701
XLOC_002879	XLOC_002879	NRP1	chr10:33466418-33623833	-0.513248	0.993188
XLOC_007736	XLOC_007736	AGSK1_LOC727849	chr15:82753446-82798352	-0.510099	1
XLOC_016793	XLOC_016793	CXCL2	chr4:74962753-74964997	-0.509985	0.999791
XLOC_003687	XLOC_003687	KRTAP5-8	chr11:71249070-71250253	-0.509666	1
XLOC_001397	XLOC_001397	SNORA44	chr1:28879528-28908366	-0.508453	0.999791
XLOC_005284	XLOC_005284	CLEC2B	chr12:10004967-10022458	-0.508446	1
XLOC_003942	XLOC_003942	MIR210HG	chr11:565656-568457	-0.508432	0.0934342
XLOC_006063	XLOC_006063	N4BP2L1	chr13:32974859-33002315	-0.508248	0.999791
XLOC_006911	XLOC_006911	NOXRRED1	chr14:77860364-77889399	-0.508198	1
XLOC_001790	XLOC_001790	HIST2H2BC	chr1:149821758-149822340	-0.507656	0.999791
XLOC_018972	XLOC_018972	FAM46A	chr6:82455446-82462428	-0.507518	0.993188
XLOC_001221	XLOC_001221	LOC115110	chr1:2481358-2484284	-0.50505	0.999791
XLOC_003944	XLOC_003944	LOC143666	chr11:573807-575885	-0.50407	0.999791
XLOC_020389	XLOC_020389	DNAH11	chr7:21582832-21985542	-0.501195	1
XLOC_006528	XLOC_006528	CYP46A1	chr14:100150754-100193638	-0.501395	1
XLOC_023074	XLOC_023074	HSPA5	chr9:127997126-128003666	-0.501184	0.274877
XLOC_007431	XLOC_007431	HSP90B2P	chr15:99791651-99926498	-0.50095	1
XLOC_012113	XLOC_012113	FOSL2	chr2:28615778-28637516	-0.500677	0.253607
XLOC_000713	XLOC_000713	LCE1E	chr1:152758752-152760901	-0.500082	1
XLOC_014420	XLOC_014420	TMEM191B	chr22:20377668-20380440	-0.499751	0.999791
XLOC_005258	XLOC_005258	RBP5	chr12:7276279-7281466	-0.499716	1

XLOC_001985	XLOC_001985	C1orf110	chr1:162824086-162838605	-0.499481	1
XLOC_011294	XLOC_011294	JSRP1	chr19:2252249-2256422	-0.498951	0.216036
XLOC_004120	XLOC_004120	SLC5A12	chr11:26688565-26743574	-0.498648	1
XLOC_022291	XLOC_022291	ADAMTSL1	chr9:18474078-18910947	-0.498266	0.999791
XLOC_008816	XLOC_008816	C17orf74	chr17:7328934-7330886	-0.498003	0.999791
XLOC_022232	XLOC_022232	PARP10	chr8:145051319-145060635	-0.49739	0.372926
XLOC_020707	XLOC_020707	CAV1	chr7:116164838-116201239	-0.495698	0.244149
XLOC_010264	XLOC_010264	PARD6G-AS1	chr18:77905806-78005397	-0.495501	0.999791
XLOC_007791	XLOC_007791	PGPEP1L	chr15:99511458-99551024	-0.495116	1
XLOC_020862	XLOC_020862	ASIC3	chr7:150745378-150749843	-0.4949	0.999791
XLOC_007976	XLOC_007976	ACSM3	chr16:20775311-20860990	-0.494507	0.999791
XLOC_022274	XLOC_022274	CD274	chr9:5450502-5470567	-0.49355	0.873899
XLOC_011992	XLOC_011992	ZNF550	chr19:58058342-58067725	-0.491782	1
XLOC_000427	XLOC_000427	ANGPTL3	chr1:62920396-63154039	-0.491497	1
XLOC_014596	XLOC_014596	LINC00634	chr22:42348190-42354946	-0.49111	1
XLOC_016794	XLOC_016794	BTC	chr4:75671447-75719882	-0.490862	1
XLOC_001147	XLOC_001147	NLRP3	chr1:247579457-247612406	-0.490389	1
XLOC_023264	XLOC_023264	TMSB4X	chrX:12993225-12995346	-0.490344	0.0879628
XLOC_019146	XLOC_019146	SYNE1	chr6:152442818-152958534	-0.490297	1
XLOC_018217	XLOC_018217	C4A,C4B	chr6:31949833-31970458	-0.490083	1
XLOC_008080	XLOC_008080	CLUHP3	chr16:31711933-31718745	-0.489909	0.999791
XLOC_008535	XLOC_008535	PRSS8	chr16:31142753-31147151	-0.489359	0.999791
XLOC_016815	XLOC_016815	RASGEF1B	chr4:82348218-82393061	-0.487743	1
XLOC_003719	XLOC_003719	SNORD15B	chr11:75110534-75133345	-0.487543	0.999791
XLOC_003324	XLOC_003324	SNORA23	chr11:9406168-9469674	-0.487443	0.999791
XLOC_010196	XLOC_010196	LIPG	chr18:47088426-47119278	-0.48742	1
XLOC_002848	XLOC_002848	LOC100499489	chr10:22724353-22726858	-0.48714	0.993188
XLOC_005444	XLOC_005444	CERS5	chr12:50523580-50561097	-0.486276	0.111388
XLOC_019172	XLOC_019172	AGPAT4	chr6:161551056-161695107	-0.486071	0.910882
XLOC_014712	XLOC_014712	ZDHHC8P1	chr22:23732791-23744799	-0.485457	0.999791
XLOC_017246	XLOC_017246	LNPEP	chr5:96271345-96365115	-0.485386	0.978746
XLOC_021131	XLOC_021131	FGL2	chr7:76751933-76924521	-0.485134	1
XLOC_004015	XLOC_004015	OR51B5	chr11:5362112-5526882	-0.484935	0.999791
XLOC_001120	XLOC_001120	EDARADD	chr1:236557679-236648008	-0.484767	0.999791
XLOC_004059	XLOC_004059	C11orf16	chr11:8932700-8954553	-0.484643	1
XLOC_005597	XLOC_005597	CSRP2	chr12:77252495-77272799	-0.483426	0.210623
XLOC_021140	XLOC_021140	CACNA2D1	chr7:81579417-82073031	-0.48221	1
XLOC_015343	XLOC_015343	CCRL1	chr3:132276981-132593050	-0.482082	1
XLOC_022936	XLOC_022936	ASPN	chr9:95059639-95432547	-0.481643	1
XLOC_018693	XLOC_018693	LOC100270746	chr6:26924771-26991753	-0.480985	0.999791
XLOC_011295	XLOC_011295	C19orf35	chr19:2274630-2282181	-0.479317	1
XLOC_012327	XLOC_012327	C2orf15	chr2:99613723-99711187	-0.479187	0.999791
XLOC_008290	XLOC_008290	LINC00304	chr16:89225627-89230083	-0.478824	1
XLOC_002134	XLOC_002134	LINC00628	chr1:204337557-204338847	-0.478559	1
XLOC_012839	XLOC_012839	UCN	chr2:27505296-27531130	-0.478251	0.999791
XLOC_007553	XLOC_007553	FRMD5	chr15:44165729-44487429	-0.477632	0.910882
XLOC_018514	XLOC_018514	MYB	chr6:135502452-135540311	-0.47605	0.929173
XLOC_000695	XLOC_000695	TUFT1	chr1:151512780-151556059	-0.475989	0.155119
XLOC_002864	XLOC_002864	MPP7	chr10:28339922-28571067	-0.475911	1
XLOC_023437	XLOC_023437	FAAH2	chrX:57313109-57515629	-0.475804	0.999791
XLOC_011338	XLOC_011338	TINCR	chr19:5558177-5568005	-0.475681	1
XLOC_005323	XLOC_005323	GPRC5D	chr12:13093708-13103318	-0.475028	0.999791
XLOC_007356	XLOC_007356	AGSK1,LOC727849	chr15:82944792-82986427	-0.474978	1
XLOC_014297	XLOC_014297	TCP10L	chr21:33947150-33957845	-0.474941	0.999791
XLOC_000683	XLOC_000683	ANXA9	chr1:150954498-150986114	-0.474567	0.999791
XLOC_002619	XLOC_002619	C10orf12	chr10:98741040-98745585	-0.474216	0.966897
XLOC_014377	XLOC_014377	LINC00162	chr21:46419126-46424642	-0.473887	1
XLOC_000602	XLOC_000602	MAGI3	chr1:113933474-114228545	-0.472212	0.956701
XLOC_003056	XLOC_003056	PIPSL	chr10:95717896-95721672	-0.471851	1
XLOC_006927	XLOC_006927	FOXP3	chr14:89622515-90085494	-0.47171	0.292222
XLOC_004361	XLOC_004361	DOC2G2	chr11:67380994-67383135	-0.47105	1
XLOC_018846	XLOC_018846	CCDC167	chr6:37450696-37467700	-0.470969	0.439127
XLOC_012401	XLOC_012401	INSIG2	chr2:118846049-118867597	-0.470953	0.212044
XLOC_013746	XLOC_013746	TUBB1	chr20:57594308-57601709	-0.470359	1
XLOC_020974	XLOC_020974	HOXA1	chr7:27132613-27135625	-0.470238	0.956701
XLOC_001949	XLOC_001949	CCDC19	chr1:159842153-159869906	-0.469842	1
XLOC_002041	XLOC_002041	SERPINC1	chr1:173872941-173886516	-0.469259	1
XLOC_006971	XLOC_006971	DEGS2	chr14:100612752-100626012	-0.469171	1
XLOC_003730	XLOC_003730	MYO7A	chr11:76839309-76926286	-0.469169	1
XLOC_004020	XLOC_004020	TRIM5	chr11:5684424-5706339	-0.468545	0.688035
XLOC_018519	XLOC_018519	TNFAIP3	chr6:138144806-138204451	-0.468447	0.999791
XLOC_015336	XLOC_015336	COL6A6	chr3:130279177-130395888	-0.46812	1
XLOC_001663	XLOC_001663	F3	chr1:94994731-95007413	-0.468097	0.66929
XLOC_016909	XLOC_016909	FABP2	chr4:120238404-120243316	-0.465726	1
XLOC_002747	XLOC_002747	LHPP	chr10:126150340-126302710	-0.465679	0.467171
XLOC_021627	XLOC_021627	LOC286190	chr8:71520811-71581447	-0.463967	1
XLOC_001891	XLOC_001891	PKLR	chr1:155247217-155271225	-0.462913	0.999791
XLOC_021061	XLOC_021061	DDC	chr7:50526133-50633154	-0.462503	1
XLOC_000450	XLOC_000450	NGG12-AS1	chr1:68167148-68698284	-0.462364	1

XLOC_014623	XLOC_014623	LOC730668	chr22:46402495-46406657	-0.461396	1
XLOC_009516	XLOC_009516	CDRT1	chr17:15491976-15523018	-0.460918	1
XLOC_002497	XLOC_002497	TSPAN15	chr10:71211225-71267423	-0.460277	0.640692
XLOC_001950	XLOC_001950	TAGLN2	chr1:159887902-159895284	-0.459508	0.205826
XLOC_015689	XLOC_015689	PFKFB4	chr3:48555116-48594227	-0.458717	0.274603
XLOC_013809	XLOC_013809	ANGPT4	chr20:853296-896960	-0.458645	1
XLOC_008351	XLOC_008351	SNORA64	chr16:2012061-2014827	-0.458339	0.999791
XLOC_001747	XLOC_001747	LINC00622	chr1:120140324-120141914	-0.458009	1
XLOC_018701	XLOC_018701	HIST1H4K	chr6:27798951-27799305	-0.457538	1
XLOC_016682	XLOC_016682	PROM1	chr4:15969848-16085623	-0.457341	1
XLOC_017896	XLOC_017896	CD74	chr5:149781199-149792499	-0.45715	1
XLOC_014522	XLOC_014522	LOC339666	chr22:32772650-32780329	-0.456514	1
XLOC_018645	XLOC_018645	ERVFRD-1	chr6:11094265-11138969	-0.456443	1
XLOC_000572	XLOC_000572	GSTM1	chr1:110230417-110236367	-0.456128	0.292267
XLOC_008166	XLOC_008166	CES4A	chr16:67022491-67043659	-0.455896	1
XLOC_004117	XLOC_004117	SVIP	chr11:22843597-22851382	-0.45556	0.638821
XLOC_006669	XLOC_006669	TMEM121	chr14:105992952-105996539	-0.454706	0.999791
XLOC_010793	XLOC_010793	ETV2	chr19:36132646-36135773	-0.454654	0.999791
XLOC_008997	XLOC_008997	C17orf50	chr17:34087915-34092098	-0.454575	1
XLOC_021129	XLOC_021129	FDPSSL2A	chr7:76090971-76135312	-0.453299	1
XLOC_021307	XLOC_021307	KCP	chr7:128516918-128550773	-0.453	1
XLOC_015534	XLOC_015534	LRRC33	chr3:196366655-196388874	-0.452432	1
XLOC_013627	XLOC_013627	SPAG4	chr20:34203808-34208965	-0.452015	0.339093
XLOC_011510	XLOC_011510	CALR3	chr19:16589867-16607003	-0.451358	1
XLOC_003931	XLOC_003931	LOC283177	chr11:134306375-134375555	-0.451156	1
XLOC_020733	XLOC_020733	HILPDA	chr7:128095883-128098472	-0.450977	0.244149
XLOC_018324	XLOC_018324	SLC29A1	chr6:44187241-44201888	-0.45056	0.159317
XLOC_001269	XLOC_001269	NPPA	chr1:11845786-11907840	-0.449813	1
XLOC_016072	XLOC_016072	KCNMB3	chr3:178957536-178984838	-0.449412	0.999791
XLOC_015616	XLOC_015616	NEK10	chr3:27257096-27410912	-0.448385	1
XLOC_002736	XLOC_002736	HTRA1	chr10:124221040-124274424	-0.448242	0.999791
XLOC_001762	XLOC_001762	PFN1P2	chr1:144610814-144612727	-0.447748	0.999791
XLOC_015587	XLOC_015587	GRIP2	chr3:14444105-14583588	-0.447258	1
XLOC_012249	XLOC_012249	BOLA3-AS1	chr2:74375107-74379516	-0.446901	0.999791
XLOC_006127	XLOC_006127	DLEU2	chr13:50556687-50699677	-0.446263	1
XLOC_021370	XLOC_021370	LOC154761	chr7:143509060-14353810	-0.446038	0.978746
XLOC_002640	XLOC_002640	SCD	chr10:102106771-102124588	-0.44602	0.467171
XLOC_011629	XLOC_011629	ZNF829	chr19:37288451-37407193	-0.445942	1
XLOC_015206	XLOC_015206	ARL6	chr3:97483594-97517373	-0.445832	0.999791
XLOC_022436	XLOC_022436	LOC100128361	chr9:95059639-95432547	-0.444174	0.999791
XLOC_004566	XLOC_004566	RPL23AP64	chr11:118868851-118889057	-0.443283	1
XLOC_022911	XLOC_022911	GAS1	chr9:89559276-89562104	-0.443222	0.999791
XLOC_008039	XLOC_008039	LOC440356	chr16:29875003-29879374	-0.442698	1
XLOC_020416	XLOC_020416	CREB5	chr7:28338939-28865511	-0.4425	0.304629
XLOC_002751	XLOC_002751	LOC283038	chr10:127371811-127408062	-0.442403	1
XLOC_016708	XLOC_016708	TLR1	chr4:38797875-38806412	-0.442372	1
XLOC_023784	XLOC_023784	MAP7D2	chrX:20024830-20135114	-0.441876	1
XLOC_009011	XLOC_009011	C17orf78	chr17:35441926-35766902	-0.441146	1
XLOC_009104	XLOC_009104	RUNDC3A	chr17:42385926-42396038	-0.440898	0.999791
XLOC_023949	XLOC_023949	ZDHHC15	chrX:74588261-74743337	-0.440086	1
XLOC_003358	XLOC_003358	LDHC	chr11:18433852-18472793	-0.440063	1
XLOC_010703	XLOC_010703	LOC100505738,MIR4458	chr5:8457799-8463209	-0.43997	0.999791
XLOC_009529	XLOC_009529	RASD1	chr17:17397752-17399709	-0.439808	1
XLOC_016303	XLOC_016303	NIPAL1	chr4:48018790-48039080	-0.43956	1
XLOC_017051	XLOC_017051	PLEKHG4B	chr5:140372-190087	-0.439204	1
XLOC_010777	XLOC_010777	FXYD1	chr19:35629731-35633954	-0.439119	0.999791
XLOC_006347	XLOC_006347	ATL1	chr14:50999799-51099784	-0.438874	0.999791
XLOC_005012	XLOC_005012	TMTC2	chr12:83080933-83528067	-0.438238	1
XLOC_004507	XLOC_004507	KBTBD3	chr11:105921824-105969419	-0.437996	0.999791
XLOC_000388	XLOC_000388	CDKN2C	chr1:51434366-51440309	-0.437929	0.482072
XLOC_016986	XLOC_016986	MARCH1	chr4:164445449-165304407	-0.437466	1
XLOC_011241	XLOC_011241	ZNF274	chr19:58694395-58724927	-0.437379	1
XLOC_000636	XLOC_000636	HFE2	chr1:145413190-145417545	-0.437208	1
XLOC_008623	XLOC_008623	TPPP3	chr16:67423711-67427421	-0.436939	1
XLOC_007316	XLOC_007316	SNX33	chr15:75941347-75950968	-0.436758	0.248943
XLOC_001647	XLOC_001647	GEMIN8P4	chr1:90458823-90460525	-0.436514	0.999791
XLOC_023598	XLOC_023598	GLUD2	chrX:120181461-120183796	-0.436498	1
XLOC_014773	XLOC_014773	PLA2G3	chr22:31530792-31536469	-0.436003	1
XLOC_012393	XLOC_012393	FOXDL1	chr2:114256660-114258727	-0.435343	0.999791
XLOC_022272	XLOC_022272	JAK2	chr9:4985244-5128183	-0.434925	0.999791
XLOC_014965	XLOC_014965	C3orf20	chr3:14716605-14814543	-0.434887	1
XLOC_002274	XLOC_002274	MAP1LC3C	chr1:242158791-242162385	-0.434866	0.999791
XLOC_011551	XLOC_011551	TSSK6	chr19:19625027-19626469	-0.434822	0.999791
XLOC_018688	XLOC_018688	HIST1H3G	chr6:26271145-26271612	-0.434817	0.999791
XLOC_016245	XLOC_016245	CPEB2	chr4:15004297-15007177	-0.434743	1
XLOC_003837	XLOC_003837	TAGLN	chr11:117049938-117075508	-0.434626	0.910882
XLOC_012914	XLOC_012914	RTN4	chr2:55199326-55277734	-0.434598	0.216036
XLOC_008158	XLOC_008158	BEAN1	chr16:66461199-66527432	-0.433473	1
XLOC_006222	XLOC_006222	RAB20	chr13:111175412-111214071	-0.433154	0.373258

XLOC_018072	XLOC_018072	RNF144B	chr6:18387580-18469105	-0.43143	1
XLOC_022288	XLOC_022288	CCDC171	chr9:15553096-15971897	-0.431303	0.999791
XLOC_023043	XLOC_023043	PHF19	chr9:123617930-123639606	-0.430518	0.790746
XLOC_019140	XLOC_019140	RAET1G	chr6:150139893-150244214	-0.428497	0.999791
XLOC_008156	XLOC_008156	CDH5	chr16:66400524-66438689	-0.42762	1
XLOC_007231	XLOC_007231	FAM63B	chr15:59063392-59149734	-0.426626	0.999791
XLOC_009874	XLOC_009874	SEPT4	chr17:56597610-56618179	-0.426423	0.999791
XLOC_018243	XLOC_018243	PHF1	chr6:33378772-33384230	-0.426278	0.266089
XLOC_016911	XLOC_016911	PDE5A	chr4:120375937-120549981	-0.425874	0.999791
XLOC_016592	XLOC_016592	ING2	chr4:184426219-184432249	-0.425468	0.66929
XLOC_007303	XLOC_007303	CLK3	chr15:74900712-74922542	-0.425179	0.304629
XLOC_020871	XLOC_020871	FABP5P3	chr7:152133979-152140100	-0.424935	1
XLOC_020347	XLOC_020347	AMZ1	chr7:2719162-2755069	-0.42484	1
XLOC_003714	XLOC_003714	NEU3	chr11:74699949-74718743	-0.424748	0.999791
XLOC_020411	XLOC_020411	HOXA11-AS	chr7:27225026-27228912	-0.424403	0.999791
XLOC_021144	XLOC_021144	SEMA3D	chr7:84624871-84751247	-0.42439	0.319958
XLOC_018010	XLOC_018010	HEIH	chr5:180256953-180262726	-0.424013	1
XLOC_023189	XLOC_023189	LRRC26	chr9:140033608-140064491	-0.423908	0.999791
XLOC_003393	XLOC_003393	HIPK3	chr11:33279167-33375939	-0.423686	0.999791
XLOC_018130	XLOC_018130	HIST1H2BM	chr6:27782821-27783267	-0.423209	1
XLOC_021862	XLOC_021862	XKR6	chr8:10753656-11058875	-0.423134	1
XLOC_015123	XLOC_015123	MANF	chr3:51422691-51426828	-0.42303	0.244149
XLOC_000045	XLOC_000045	SMIM1	chr1:3689351-3692546	-0.421483	0.999791
XLOC_022429	XLOC_022429	GADD45G	chr9:92219926-92221469	-0.421366	0.999791
XLOC_000863	XLOC_000863	TBX19	chr1:168250277-168283664	-0.421207	0.999791
XLOC_014467	XLOC_014467	ADORA2A	chr22:24823529-24890783	-0.420479	0.999791
XLOC_000673	XLOC_000673	C1orf51	chr1:150255228-150259501	-0.420022	0.999791
XLOC_017760	XLOC_017760	EFNA5	chr5:106712589-107006596	-0.419891	0.987316
XLOC_003894	XLOC_003894	NRGN	chr11:124609828-124617102	-0.419592	0.811106
XLOC_004212	XLOC_004212	SLC43A3	chr1:57174426-57195053	-0.419563	1
XLOC_018796	XLOC_018796	HLA-DRB1	chr6:32546546-32557613	-0.418466	1
XLOC_016796	XLOC_016796	CDKL2	chr4:76501703-76555721	-0.418357	1
XLOC_009755	XLOC_009755	LINC00671	chr17:41026690-41050751	-0.417991	1
XLOC_016536	XLOC_016536	FAM160A1	chr4:152330397-152584784	-0.417738	0.910882
XLOC_001389	XLOC_001389	IFI6	chr1:27992571-27998724	-0.417667	0.999791
XLOC_008217	XLOC_008217	IL34	chr16:70613797-70694585	-0.417271	1
XLOC_011616	XLOC_011616	THAP8	chr19:36525886-36545664	-0.4171	0.999791
XLOC_016622	XLOC_016622	LOC100129917	chr4:773936-775636	-0.417075	1
XLOC_005762	XLOC_005762	HCAR2	chr12:123185839-123187904	-0.41704	1
XLOC_009109	XLOC_009109	ADAM11	chr17:42836567-42859214	-0.416667	0.774655
XLOC_003958	XLOC_003958	DUSP8	chr11:1490684-1785501	-0.415476	0.999791
XLOC_005893	XLOC_005893	CDADC1	chr13:49822046-49867622	-0.414002	0.999791
XLOC_001978	XLOC_001978	C1orf192	chr1:161284165-161337673	-0.413717	1
XLOC_015463	XLOC_015463	SOX2-OT	chr3:180774467-181460013	-0.413114	0.999791
XLOC_022878	XLOC_022878	KLF9	chr9:72999512-73029573	-0.412604	0.956701
XLOC_015621	XLOC_015621	OSBPL10	chr3:31702316-32033228	-0.412445	0.438059
XLOC_003336	XLOC_003336	MICALCL	chr1:12308446-12308691	-0.412152	1
XLOC_013297	XLOC_013297	RFTN2	chr2:198435526-198540584	-0.411687	1
XLOC_000256	XLOC_000256	FAM167B	chr1:32712817-32714461	-0.411637	0.999791
XLOC_006850	XLOC_006850	SGPP1	chr14:64150934-64194756	-0.411014	0.64943
XLOC_015890	XLOC_015890	COX17	chr3:119388371-119396243	-0.410824	0.420675
XLOC_012640	XLOC_012640	PNKD	chr2:219135114-219211516	-0.410639	0.999791
XLOC_013398	XLOC_013398	IRS1	chr2:227596032-227663506	-0.410134	0.999791
XLOC_015750	XLOC_015750	LINC00696	chr3:52096109-52099128	-0.409895	1
XLOC_022798	XLOC_022798	FAM219A	chr9:34398181-34458568	-0.409439	0.430859
XLOC_022340	XLOC_022340	TMEM8B	chr9:35829221-35854844	-0.408944	0.949191
XLOC_007268	XLOC_007268	PIAS1	chr15:68346571-68480404	-0.40887	0.774655
XLOC_024015	XLOC_024015	KCNE1L	chrX:108866928-108868393	-0.408675	0.999791
XLOC_004741	XLOC_004741	GPRC5A	chr12:13043955-13066600	-0.408508	0.603585
XLOC_002232	XLOC_002232	ACTA1	chr1:229566992-229569843	-0.408452	0.999791
XLOC_014603	XLOC_014603	SERHL	chr22:42896584-42915829	-0.408261	1
XLOC_014691	XLOC_014691	RIMBP3	chr22:20455993-20461786	-0.4077	1
XLOC_018631	XLOC_018631	NRN1	chr6:5998232-6007633	-0.407381	0.373258
XLOC_008734	XLOC_008734	VPS9D1	chr16:89773540-89883065	-0.407324	0.999791
XLOC_014525	XLOC_014525	LOC100506195	chr22:33669061-34316416	-0.407311	1
XLOC_022397	XLOC_022397	PCSK5	chr9:78505559-78977255	-0.407218	0.999791
XLOC_005634	XLOC_005634	FGD6	chr12:95470524-95611240	-0.407177	1
XLOC_004131	XLOC_004131	PAX6	chr11:31806339-31908587	-0.40717	1
XLOC_018690	XLOC_018690	LOC285819	chr6:26458152-26482737	-0.407153	1
XLOC_000472	XLOC_000472	DNAJB4	chr1:78470635-78482995	-0.406602	0.910882
XLOC_013018	XLOC_013018	SFTPB	chr2:85884439-85895864	-0.405895	1
XLOC_016313	XLOC_016313	SNORA26	chr4:53578620-53580305	-0.405775	0.999791
XLOC_001761	XLOC_001761	LOC728875	chr1:144480745-144521969	-0.405677	1
XLOC_015117	XLOC_015117	C3orf45	chr3:50316517-50330026	-0.405465	1
XLOC_020491	XLOC_020491	EGFR	chr7:55086724-55275031	-0.405464	0.993188
XLOC_023160	XLOC_023160	LHX3	chr9:139088095-139096955	-0.405246	0.999791
XLOC_020562	XLOC_020562	SPDYE5	chr7:75124298-75133628	-0.405028	1
XLOC_015407	XLOC_015407	P2RY1	chr3:152552735-152555843	-0.404087	1
XLOC_014624	XLOC_014624	LOC150381	chr22:46446338-46454402	-0.403628	0.999791

XLOC_020977	XLOC_020977	HOXA4	chr7:27168125-27170399	-0.403483	0.993188
XLOC_000089	XLOC_000089	PLOD1	chr11:11994723-12035599	-0.402562	0.437026
XLOC_009474	XLOC_009474	PER1	chr17:8043787-8055753	-0.402385	0.670785
XLOC_013268	XLOC_013268	FRZB	chr2:183698004-183731498	-0.402065	1
XLOC_019170	XLOC_019170	LPAL2	chr6:160887586-160932156	-0.401696	1
XLOC_021138	XLOC_021138	SEMA3C	chr7:80371853-80548667	-0.401147	1
XLOC_004798	XLOC_004798	FGD4	chr12:32655040-32798984	-0.400897	1
XLOC_009749	XLOC_009749	PLEKHH3	chr17:40819931-40829048	-0.400808	0.735322
XLOC_021143	XLOC_021143	SEMA3A	chr7:83587658-83824217	-0.400036	0.811106
XLOC_000844	XLOC_000844	DDR2	chr1:162602227-162750247	-0.399981	1
XLOC_021092	XLOC_021092	PMS2P4	chr7:667411117-66767429	-0.399164	0.999791
XLOC_016906	XLOC_016906	PRSS12	chr4:119201192-119273922	-0.399084	0.910882
XLOC_012530	XLOC_012530	HOXD4	chr2:177016112-177017949	-0.398692	0.999791
XLOC_016174	XLOC_016174	WHSC1	chr4:1873122-1983934	-0.398097	0.373258
XLOC_018831	XLOC_018831	TULP1	chr6:35465650-35480647	-0.397534	1
XLOC_007984	XLOC_007984	OTOA	chr16:21689834-21772050	-0.397403	1
XLOC_006880	XLOC_006880	MAP3K9	chr14:71194853-71275888	-0.39737	0.999791
XLOC_009014	XLOC_009014	TBC1D3	chr17:36283959-36295098	-0.396778	1
XLOC_003297	XLOC_003297	CNGA4	chr11:6260321-6265707	-0.396185	1
XLOC_015718	XLOC_015718	MST1	chr3:49721379-49726196	-0.396052	0.999791
XLOC_021147	XLOC_021147	TP53TG1	chr7:86954663-86974808	-0.395131	0.999791
XLOC_008666	XLOC_008666	ZNF821	chr16:71893582-719181093	-0.395014	0.934472
XLOC_006348	XLOC_006348	ABHD12B	chr14:51338877-51371688	-0.394662	1
XLOC_022741	XLOC_022741	MLL3	chr9:20344967-20622514	-0.394644	0.774655
XLOC_023354	XLOC_023354	ARAF	chrX:47420498-47479256	-0.394635	0.999791
XLOC_008955	XLOC_008955	EFCAB5	chr17:27952964-28435470	-0.394425	1
XLOC_010088	XLOC_010088	ROCK1P1	chr18:109064-122222	-0.394151	0.999791
XLOC_015447	XLOC_015447	FNDC3B	chr3:171757417-172118492	-0.393901	0.66929
XLOC_012090	XLOC_012090	MAPRE3	chr2:27193524-27250087	-0.393894	0.999791
XLOC_013233	XLOC_013233	MLK7-AS1	chr2:173940564-174146764	-0.393651	1
XLOC_018066	XLOC_018066	GMPR	chr6:16238810-16295780	-0.393331	0.638821
XLOC_011443	XLOC_011443	ZNF878	chr19:12154619-12163782	-0.392951	1
XLOC_006897	XLOC_006897	PGF	chr14:75408532-75422467	-0.392825	0.640692
XLOC_011388	XLOC_011388	ZNF414	chr19:8575461-8579048	-0.391673	0.993188
XLOC_012463	XLOC_012463	MBD5	chr2:148602569-149271044	-0.391093	1
XLOC_008730	XLOC_008730	SLC22A31	chr16:89262168-89266529	-0.390881	1
XLOC_016907	XLOC_016907	SEC24D	chr4:119643977-119757326	-0.390495	0.747879
XLOC_017884	XLOC_017884	SPINK1	chr5:147204142-147211260	-0.39023	1
XLOC_009024	XLOC_009024	LINC00672	chr17:37081420-37085637	-0.389972	1
XLOC_003874	XLOC_003874	TECTA	chr11:120973374-121061615	-0.389234	1
XLOC_008915	XLOC_008915	CCDC144C	chr17:20224486-20305504	-0.388949	1
XLOC_008549	XLOC_008549	LINC00273	chr16:33961051-33962503	-0.388561	1
XLOC_016588	XLOC_016588	TENM3	chr4:183245136-183724177	-0.38856	1
XLOC_000241	XLOC_000241	MATN1-AS1	chr1:31184123-31199593	-0.387836	0.999791
XLOC_009668	XLOC_009668	GSDMB	chr17:38060847-38074903	-0.387499	0.999791
XLOC_000762	XLOC_000762	ASH1L-AS1	chr1:155305051-155533735	-0.387329	0.999791
XLOC_017778	XLOC_017778	SEMA6A	chr5:115779250-115910551	-0.386793	1
XLOC_010235	XLOC_010235	HMSD	chr18:61616587-61627645	-0.386613	0.999791
XLOC_017762	XLOC_017762	HP07349	chr5:108063525-108063962	-0.386473	0.999791
XLOC_015068	XLOC_015068	CLEC3B	chr3:45067758-45077563	-0.386442	0.999791
XLOC_021505	XLOC_021505	PDLIM2	chr8:22436253-22455538	-0.386421	0.41737
XLOC_023344	XLOC_023344	CHST7	chrX:46433191-46457838	-0.386002	0.999791
XLOC_007263	XLOC_007263	SMAD3	chr15:67358194-67487533	-0.385921	0.567498
XLOC_002357	XLOC_002357	QLAH	chr10:15085894-15115851	-0.385394	1
XLOC_010001	XLOC_010001	TK1	chr17:76170159-76183285	-0.384567	0.420675
XLOC_005255	XLOC_005255	LPCAT3	chr12:7085346-7125842	-0.38447	0.735322
XLOC_011626	XLOC_011626	ZNF461	chr19:37128282-37157739	-0.383412	0.999791
XLOC_007613	XLOC_007613	RORA	chr15:60780482-61521502	-0.383121	0.670785
XLOC_012643	XLOC_012643	CTDSP1	chr2:219263060-219270664	-0.382934	0.399431
XLOC_015520	XLOC_015520	HRASLS	chr3:192958916-192988644	-0.382708	1
XLOC_001838	XLOC_001838	LCE1C	chr1:152777310-152779107	-0.382383	1
XLOC_012708	XLOC_012708	CHRNA	chr2:233404436-233411038	-0.382214	1
XLOC_011644	XLOC_011644	GGN	chr19:38874991-38878668	-0.381826	0.999791
XLOC_006811	XLOC_006811	TXNDC16	chr14:52897307-53019301	-0.381821	0.999791
XLOC_005360	XLOC_005360	BHLHE41	chr12:26272958-26278003	-0.381671	0.886909
XLOC_002485	XLOC_002485	TET1	chr10:70320116-70454239	-0.381484	1
XLOC_002028	XLOC_002028	ANKRD45	chr1:173577474-173639001	-0.381397	1
XLOC_023548	XLOC_023548	CXorf57	chrX:105855159-105922673	-0.378943	0.999791
XLOC_006830	XLOC_006830	C14orf105	chr14:57936594-57960576	-0.378808	1
XLOC_004628	XLOC_004628	PRDM10	chr11:129769600-129875381	-0.378038	0.999791
XLOC_015039	XLOC_015039	ZNF620	chr3:40547529-40559712	-0.377498	0.999791
XLOC_006937	XLOC_006937	FBLN5	chr14:92335754-92414046	-0.37682	0.999791
XLOC_004331	XLOC_004331	EFEMP2	chr11:65627871-65640405	-0.376725	0.999791
XLOC_009285	XLOC_009285	LLGL2	chr17:73521782-73571290	-0.376654	0.770214
XLOC_010635	XLOC_010635	LOC113230	chr19:14183820-14185874	-0.376239	0.999791
XLOC_017795	XLOC_017795	P4HA2	chr5:131528303-131563556	-0.375742	0.495654
XLOC_019141	XLOC_019141	RAET1K	chr6:150319154-150326280	-0.37528	0.999791
XLOC_023962	XLOC_023962	HMGNA5	chrX:80369199-80554046	-0.375125	0.999791
XLOC_014078	XLOC_014078	EEF1A2	chr20:62119364-62130668	-0.375034	1

XLOC_011778	XLOC_011778	PPP5D1	chr19:46984044-47104457	-0.374839	1
XLOC_005543	XLOC_005543	STAC3	chr12:57637241-57644969	-0.374357	0.999791
XLOC_020964	XLOC_020964	DFNA5	chr7:24737973-24797639	-0.374189	1
XLOC_003782	XLOC_003782	ARHGAP42	chr11:100558406-100861656	-0.374137	1
XLOC_001184	XLOC_001184	LINC00115	chr1:761585-762902	-0.373939	0.999791
XLOC_012730	XLOC_012730	RBM44	chr2:238707387-238751451	-0.373921	1
XLOC_011994	XLOC_011994	ZNF154	chr19:58211809-58220579	-0.373865	1
XLOC_018702	XLOC_018702	HIST1H2AK	chr6:27805657-27806117	-0.373664	1
XLOC_021953	XLOC_021953	RNF122	chr8:33405272-33424643	-0.373611	0.999791
XLOC_010022	XLOC_010022	AATK	chr17:79008946-79156964	-0.373173	0.999791
XLOC_011811	XLOC_011811	DBP	chr19:49133816-49140639	-0.372788	0.891812
XLOC_000904	XLOC_000904	RALGPS2	chr1:178694299-178889237	-0.372231	0.790746
XLOC_000908	XLOC_000908	AXDND1	chr1:179334854-179545084	-0.371766	0.999791
XLOC_005259	XLOC_005259	CD163L1	chr12:7507556-7596749	-0.370987	1
XLOC_022663	XLOC_022663	C9orf163	chr9:139334547-139380519	-0.370755	0.999791
XLOC_006196	XLOC_006196	GPR18	chr13:99848627-100058554	-0.37066	1
XLOC_010520	XLOC_010520	ACSBG2	chr19:6135709-6193112	-0.36997	1
XLOC_005663	XLOC_005663	C12orf73	chr12:104343980-104350993	-0.369947	0.999791
XLOC_002008	XLOC_002008	C1orf114	chr1:169337193-169396670	-0.369814	1
XLOC_012228	XLOC_012228	PCYOX1	chr2:70485230-70508317	-0.369727	0.638821
XLOC_010091	XLOC_010091	CLUL1	chr18:596997-712662	-0.369194	1
XLOC_018128	XLOC_018128	HIST1H2AI	chr6:27775976-27776445	-0.368967	0.999791
XLOC_005432	XLOC_005432	LMBR1L	chr12:49490922-49504680	-0.368897	0.771522
XLOC_024152	XLOC_024152	LOC100131434	chrX:148609131-148621312	-0.368896	1
XLOC_005536	XLOC_005536	RDH16	chr12:57345215-57351418	-0.368136	1
XLOC_015731	XLOC_015731	HYAL1	chr3:50337319-50349812	-0.36799	1
XLOC_011808	XLOC_011808	LMTK3	chr19:48988527-49016446	-0.367779	0.999791
XLOC_005567	XLOC_005567	RPSAP52	chr12:66151799-66360071	-0.367714	0.999791
XLOC_000599	XLOC_000599	FAM19A3	chr1:113263188-113269856	-0.36753	0.999791
XLOC_003415	XLOC_003415	SEC14L1P1	chr11:43902356-43942494	-0.366838	1
XLOC_008929	XLOC_008929	PYY2	chr17:26553588-26555085	-0.366691	0.999791
XLOC_013842	XLOC_013842	RASSF2	chr20:4760668-4804291	-0.366245	1
XLOC_022964	XLOC_022964	CTSL2	chr9:99791958-99801925	-0.365883	0.895959
XLOC_020366	XLOC_020366	PMS2CL	chr7:6774935-6791232	-0.3658	0.999791
XLOC_000339	XLOC_000339	ARTN	chr1:44398991-44402912	-0.365563	1
XLOC_018697	XLOC_018697	ZNF204P	chr6:27325601-27343153	-0.365332	0.999791
XLOC_015358	XLOC_015358	IL20RB	chr3:136676706-136729926	-0.365194	1
XLOC_003728	XLOC_003728	CAPN5	chr11:76777991-76837198	-0.365192	0.774655
XLOC_015249	XLOC_015249	PVRL3	chr3:110790605-110913016	-0.364874	0.993188
XLOC_000519	XLOC_000519	SLC44A3	chr1:95285897-95360803	-0.364811	0.999791
XLOC_012456	XLOC_012456	YY1P2	chr2:139654893-139656744	-0.364352	1
XLOC_023878	XLOC_023878	IQSEC2	chrX:53262057-53350522	-0.364149	0.999791
XLOC_017739	XLOC_017739	FLJ42709	chr5:92745064-92917003	-0.363993	0.999791
XLOC_004675	XLOC_004675	SCARNA10	chr12:6603297-6641132	-0.363281	0.999791
XLOC_015823	XLOC_015823	ZNF717	chr3:75786028-75834255	-0.36328	1
XLOC_004350	XLOC_004350	PC	chr11:66615996-66725847	-0.362925	0.999791
XLOC_003428	XLOC_003428	MAPK8IP1	chr11:45907046-45928016	-0.362787	0.999791
XLOC_001811	XLOC_001811	LYSMD1	chr1:151129104-151148547	-0.362702	0.999791
XLOC_003302	XLOC_003302	ILK	chr11:6624963-6633475	-0.362683	0.957042
XLOC_007398	XLOC_007398	SEMA4B	chr15:90728151-90728292	-0.362492	0.62859
XLOC_001506	XLOC_001506	TMEM53	chr1:45119500-45140099	-0.362462	0.999791
XLOC_011259	XLOC_011259	MIER2	chr19:305574-344791	-0.362305	0.774655
XLOC_018387	XLOC_018387	SH3BGR2	chr6:80340999-80413369	-0.361943	0.993188
XLOC_006235	XLOC_006235	LINC00565	chr13:114629486-114631964	-0.361541	0.999791
XLOC_020371	XLOC_020371	GLCC1	chr7:8008373-8128709	-0.360587	0.999791
XLOC_005933	XLOC_005933	KLF5	chr13:73633141-73651676	-0.359927	0.999791
XLOC_007731	XLOC_007731	STAR5	chr15:81489218-81616524	-0.359261	0.999791
XLOC_021453	XLOC_021453	CLDN23	chr8:8559665-8561617	-0.359249	0.999791
XLOC_008865	XLOC_008865	HS3ST3B1	chr17:14204505-14249492	-0.359221	1
XLOC_010661	XLOC_010661	HS2D	chr19:16244837-16269377	-0.35862	0.999791
XLOC_004645	XLOC_004645	LOC100292680	chr12:1609656-1613590	-0.358464	1
XLOC_016714	XLOC_016714	SMIM14	chr4:39529458-39640481	-0.358372	0.999791
XLOC_018743	XLOC_018743	NRM	chr6:30655823-30659197	-0.357031	0.774655
XLOC_017844	XLOC_017844	SLC23A1	chr5:138677518-138719039	-0.356654	1
XLOC_004383	XLOC_004383	DHCR7	chr1:71145456-71159477	-0.356277	0.547369
XLOC_021626	XLOC_021626	SULF1	chr8:70378858-70573147	-0.356177	1
XLOC_004304	XLOC_004304	PYGM	chr11:64513860-64528187	-0.356041	1
XLOC_013730	XLOC_013730	FAM209A	chr20:55043646-55101208	-0.355399	1
XLOC_002410	XLOC_002410	HSD17B7P2	chr10:38645307-38667433	-0.354911	0.999791
XLOC_000787	XLOC_000787	KIRREL	chr1:157963062-158065844	-0.35474	0.999791
XLOC_011424	XLOC_011424	AP1M2	chr19:10683346-10697991	-0.35399	0.999791
XLOC_016466	XLOC_016466	LRI3	chr4:110769357-110793471	-0.35349	1
XLOC_000978	XLOC_000978	KDM5B-AS1	chr1:202780073-202781041	-0.352917	0.999791
XLOC_008263	XLOC_008263	KLHL36	chr16:84682130-84695916	-0.352495	0.949191
XLOC_014784	XLOC_014784	RFPL3S	chr22:32750871-32767063	-0.352266	0.999791
XLOC_012046	XLOC_012046	KLF11	chr2:10183681-10194963	-0.351801	0.999791
XLOC_004704	XLOC_004704	FOXJ2	chr12:8185358-8208118	-0.351504	0.949191
XLOC_000252	XLOC_000252	CCDC28B	chr1:32666201-32670991	-0.351202	0.999791
XLOC_010992	XLOC_010992	SYNGR4	chr19:48867650-48879634	-0.350854	1

XLOC_013058	XLOC_013058	ANKRD36B	chr2:98121260-98206428	-0.350658	0.999791
XLOC_006299	XLOC_006299	REC8	chr14:24641233-24658124	-0.350515	0.999791
XLOC_004888	XLOC_004888	LOC400043	chr12:54519854-54526626	-0.350198	1
XLOC_014692	XLOC_014692	SCARF2	chr22:20778873-20792146	-0.350144	0.999791
XLOC_012136	XLOC_012136	RASGRP3	chr2:33661415-33789798	-0.349848	1
XLOC_012086	XLOC_012086	KCNK3	chr2:26915580-26954066	-0.349183	1
XLOC_013062	XLOC_013062	MGAT4A	chr2:99235568-99347589	-0.348838	0.999791
XLOC_011606	XLOC_011606	IGFLR1	chr19:36230150-36233351	-0.348745	0.999791
XLOC_016735	XLOC_016735	TEC	chr4:48137799-48271814	-0.348597	0.999791
XLOC_000938	XLOC_000938	PLA2G4A	chr1:186798031-186958113	-0.347959	0.999791
XLOC_001092	XLOC_001092	OBSO1	chr1:228391206-228566575	-0.347841	0.993188
XLOC_013927	XLOC_013927	SNTA1	chr20:31995762-32031698	-0.347684	0.886909
XLOC_021605	XLOC_021605	CLVS1	chr8:62200524-62627199	-0.347647	1
XLOC_011734	XLOC_011734	LYPD5	chr19:44300078-44324808	-0.34758	0.999791
XLOC_008866	XLOC_008866	MGC12916	chr17:14204505-14249492	-0.346773	0.999791
XLOC_002826	XLOC_002826	ACBD7	chr10:15117473-15130775	-0.346412	0.999791
XLOC_012048	XLOC_012048	C2orf48	chr2:10281980-10350942	-0.346231	0.999791
XLOC_002138	XLOC_002138	TMEM81	chr1:205052256-205053588	-0.346152	0.999791
XLOC_001863	XLOC_001863	CRTC2	chr1:153920147-153931132	-0.34591	0.754004
XLOC_018235	XLOC_018235	HSD17B8	chr6:33172413-33174608	-0.34573	0.999791
XLOC_001881	XLOC_001881	LOC100505666	chr1:155006281-155042029	-0.345068	0.999791
XLOC_023029	XLOC_023029	DFNB31	chr9:117164359-117267736	-0.344974	0.870405
XLOC_006461	XLOC_006461	ESRRB	chr14:76837689-76968180	-0.344582	1
XLOC_000216	XLOC_000216	WDTC1	chr1:27561006-27635124	-0.344574	0.999791
XLOC_012621	XLOC_012621	MAP2	chr2:210288770-210598834	-0.344203	1
XLOC_014955	XLOC_014955	CAND2	chr3:12838170-12876313	-0.344188	1
XLOC_018110	XLOC_018110	BTN3A1	chr6:26402464-26415444	-0.344156	0.999791
XLOC_015867	XLOC_015867	SLC9C1	chr3:111859751-112013074	-0.343793	1
XLOC_008280	XLOC_008280	ZNF469	chr16:88493878-88507165	-0.3436	1
XLOC_007191	XLOC_007191	DUOX1	chr15:45422191-45457774	-0.343067	1
XLOC_012658	XLOC_012658	ZFAND2B	chr2:220071505-220074373	-0.342887	0.870405
XLOC_004334	XLOC_004334	C11orf68	chr11:65684282-65686531	-0.342832	0.648523
XLOC_020817	XLOC_020817	FAM115C	chr7:143318044-143427173	-0.342724	0.999791
XLOC_012506	XLOC_012506	LOC100505695	chr2:171627603-171634757	-0.342574	0.999791
XLOC_013695	XLOC_013695	PCIF1	chr20:44563316-44576662	-0.341712	0.873023
XLOC_013513	XLOC_013513	LOC728228	chr20:4173736-4176600	-0.34152	1
XLOC_018238	XLOC_018238	HCG25	chr6:33217312-33239662	-0.341481	1
XLOC_021728	XLOC_021728	DEPTOR	chr8:120885899-121063157	-0.341447	0.999791
XLOC_008464	XLOC_008464	SFLT4A5P2	chr16:21529229-21531765	-0.341364	0.999791
XLOC_002519	XLOC_002519	FUT11	chr10:75532048-75535976	-0.340596	0.999791
XLOC_001124	XLOC_001124	RYR2	chr1:237205701-237997288	-0.340591	1
XLOC_001246	XLOC_001246	UTS2	chr1:7907671-7913551	-0.34056	0.999791
XLOC_011708	XLOC_011708	LIPE	chr19:42901299-43156507	-0.339899	0.999791
XLOC_012712	XLOC_012712	C2orf82	chr2:233734993-233741107	-0.339817	0.999791
XLOC_020930	XLOC_020930	LOC100131257	chr7:7115400-71136417	-0.339704	1
XLOC_002464	XLOC_002464	MTRNR2L5	chr10:57358749-57360487	-0.339468	1
XLOC_012787	XLOC_012787	SNORA80B	chr2:10580507-10588453	-0.339086	0.999791
XLOC_009781	XLOC_009781	GJC1	chr17:42875815-42908179	-0.338674	0.748784
XLOC_023027	XLOC_023027	KIF12	chr9:116853917-116861337	-0.338609	0.999791
XLOC_020614	XLOC_020614	ASB4	chr7:95115212-95169543	-0.338373	1
XLOC_002772	XLOC_002772	KNDC1	chr10:134973970-135039916	-0.337897	0.999791
XLOC_007150	XLOC_007150	GCHFR	chr15:41056284-41059911	-0.337404	0.861897
XLOC_011363	XLOC_011363	SH2D3A	chr19:6752172-6767523	-0.336995	0.999791
XLOC_020937	XLOC_020937	ETV1	chr7:13930855-14031050	-0.336719	0.999791
XLOC_014971	XLOC_014971	BTD	chr3:15643254-15687325	-0.336694	0.999791
XLOC_014440	XLOC_014440	SDF2L1	chr22:21996541-21998588	-0.336102	0.832462
XLOC_011275	XLOC_011275	GAMT	chr19:1397024-1401569	-0.336024	1
XLOC_001671	XLOC_001671	FRRS1	chr1:100111430-100231349	-0.335742	0.999791
XLOC_018289	XLOC_018289	FOXP4	chr6:41514163-41570122	-0.335633	0.777779
XLOC_013163	XLOC_013163	TMEM163	chr2:135213329-135476571	-0.335413	1
XLOC_023954	XLOC_023954	MAGT1	chrX:77081861-77151065	-0.335186	0.774655
XLOC_007153	XLOC_007153	SPINT1	chr15:41136245-41149853	-0.33494	0.71528
XLOC_005837	XLOC_005837	USPL1	chr13:31191829-31233686	-0.334639	0.993188
XLOC_012270	XLOC_012270	TMSB10	chr2:85132762-85133799	-0.334624	0.999791
XLOC_001808	XLOC_001808	FAM63A	chr1:150969300-150980854	-0.334564	0.999791
XLOC_021483	XLOC_021483	PDGFRL	chr8:17433941-17500642	-0.334564	0.999791
XLOC_007759	XLOC_007759	KLHL25	chr15:86302558-86338189	-0.33422	0.999791
XLOC_001503	XLOC_001503	KDMAA-AS1	chr1:44115796-44173012	-0.333813	0.999791
XLOC_023382	XLOC_023382	PPP1R3F	chrX:49126305-49144555	-0.333665	0.999791
XLOC_015752	XLOC_015752	TLR9	chr3:52255095-52260179	-0.333091	1
XLOC_011349	XLOC_011349	RFX2	chr19:5978413-6110664	-0.33302	0.999791
XLOC_003597	XLOC_003597	SLC22A11	chr1:64323097-64338999	-0.332756	1
XLOC_021683	XLOC_021683	LOC100616530	chr8:96257140-96822371	-0.332615	1
XLOC_009306	XLOC_009306	MGAT5B	chr17:74864797-74946471	-0.332579	0.999791
XLOC_003945	XLOC_003945	IRF7	chr1:612554-615999	-0.332488	1
XLOC_018398	XLOC_018398	NT5E	chr6:86159301-86205509	-0.332171	0.999791
XLOC_014207	XLOC_014207	LRRC3	chr21:45875392-45878739	-0.332127	0.999791
XLOC_018520	XLOC_018520	KIAA1244	chr6:138483052-138665800	-0.332126	0.790746
XLOC_020352	XLOC_020352	RBAK,RBAK-LOC389458	chr7:5085451-5112854	-0.331575	0.999791

XLOC_022287	XLOC_022287	SNAPC3	chr9:15422781-15461627	-0.331526	0.999791
XLOC_017199	XLOC_017199	F2R	chr5:76011867-76031595	-0.331348	0.999791
XLOC_002447	XLOC_002447	ZNF488	chr10:48355088-48373866	-0.331001	1
XLOC_007269	XLOC_007269	FEM1B	chr15:68570140-68583640	-0.33051	0.999791
XLOC_014687	XLOC_014687	RTN4R	chr22:20228937-20255816	-0.330448	0.993188
XLOC_012775	XLOC_012775	CMPK2	chr2:6980683-7006766	-0.329978	0.999791
XLOC_012507	XLOC_012507	GAD1	chr2:171673199-171717659	-0.329926	0.999791
XLOC_003051	XLOC_003051	CPEB3	chr10:93808396-94050875	-0.329836	1
XLOC_021880	XLOC_021880	LONRF1	chr8:12579405-12612992	-0.329629	0.999791
XLOC_010226	XLOC_010226	ZCCHC2	chr18:60190657-60245818	-0.329562	0.999791
XLOC_016395	XLOC_016395	FRAS1	chr4:78978723-79465423	-0.329298	0.966897
XLOC_010914	XLOC_010914	ZNF284	chr19:44576296-44591623	-0.329085	0.999791
XLOC_017480	XLOC_017480	FGF18	chr5:170846666-170884630	-0.329037	0.999791
XLOC_022341	XLOC_022341	FP588	chr9:35860270-35865515	-0.328783	1
XLOC_010995	XLOC_010995	KCNJ14	chr19:48958963-48969367	-0.328773	0.999791
XLOC_004606	XLOC_004606	ESAM	chr11:124623018-124632223	-0.328477	0.999791
XLOC_002963	XLOC_002963	ATOH7	chr10:69990351-69991870	-0.328475	1
XLOC_020424	XLOC_020424	ZNRF2	chr7:30323922-30407308	-0.328448	0.999791
XLOC_004359	XLOC_004359	CDK2AP2	chr1:67273960-67276199	-0.328323	0.891812
XLOC_002071	XLOC_002071	ARPC5	chr1:183595327-183605076	-0.328188	0.774655
XLOC_000226	XLOC_000226	SMPDL3B	chr1:28261503-28285663	-0.328187	0.999791
XLOC_013477	XLOC_013477	NRSN2	chr20:327369-335512	-0.328039	1
XLOC_017969	XLOC_017969	HK3	chr5:176237559-176326333	-0.32787	1
XLOC_009361	XLOC_009361	FLJ43681	chr17:81174665-81188573	-0.32778	0.999791
XLOC_007981	XLOC_007981	CRYM-AS1	chr16:21269838-21329912	-0.327449	1
XLOC_023357	XLOC_023357	LOC100133957	chrX:47511190-47519776	-0.32742	0.999791
XLOC_003220	XLOC_003220	IFITM1	chr1:313990-315272	-0.32721	0.999791
XLOC_016187	XLOC_016187	RGS12	chr4:3315873-3441640	-0.327199	0.999791
XLOC_020539	XLOC_020539	VPS37D	chr7:73082173-73086440	-0.326295	0.978746
XLOC_018112	XLOC_018112	BTN3A3	chr6:26440699-26453643	-0.326062	0.999791
XLOC_004110	XLOC_004110	E2F8	chr11:19245609-19263202	-0.325858	0.999791
XLOC_004728	XLOC_004728	PRH2	chr12:10998447-11328619	-0.325656	1
XLOC_014980	XLOC_014980	SGOL1-AS1	chr3:20202084-20227919	-0.325463	0.999791
XLOC_012392	XLOC_012392	CBWD2	chr2:114195267-114253781	-0.325313	0.999791
XLOC_012188	XLOC_012188	PRORS1P	chr2:55509454-55511607	-0.32514	0.999791
XLOC_002129	XLOC_002129	ETNK2	chr1:204100189-204121307	-0.324838	0.999791
XLOC_017348	XLOC_017348	SNORA74A	chr5:138609440-138667366	-0.324798	0.999791
XLOC_008810	XLOC_008810	ACAP1	chr17:7239847-7254793	-0.324681	0.999791
XLOC_004745	XLOC_004745	KIAA1467	chr12:13197314-13236383	-0.3246	0.999791
XLOC_008045	XLOC_008045	ALDOA	chr16:30064410-30081741	-0.324316	0.999791
XLOC_000287	XLOC_000287	SH3D21	chr1:36771993-36786948	-0.323986	0.999791
XLOC_007767	XLOC_007767	MFGE8	chr15:89441913-89456663	-0.32382	0.93499
XLOC_010768	XLOC_010768	WTIP	chr19:34972879-34992085	-0.323713	0.999791
XLOC_009042	XLOC_009042	THRA	chr17:38218445-38256978	-0.323575	0.999791
XLOC_001479	XLOC_001479	OXCT2	chr1:40204516-40254533	-0.323412	0.999791
XLOC_001701	XLOC_001701	SLC16A4	chr1:110905472-110933704	-0.323313	1
XLOC_000520	XLOC_000520	LOC729970	chr1:95393583-95428826	-0.322998	0.999791
XLOC_011845	XLOC_011845	FUZ	chr19:50270179-50316567	-0.322775	0.999791
XLOC_002996	XLOC_002996	MSS51	chr10:75183336-75193319	-0.322396	0.999791
XLOC_005357	XLOC_005357	IFLTD1	chr12:25629015-25801496	-0.322286	1
XLOC_011533	XLOC_011533	JUND	chr19:18390562-18392432	-0.322247	0.844649
XLOC_008335	XLOC_008335	CCDC154	chr16:1484388-1494490	-0.322083	0.999791
XLOC_016154	XLOC_016154	LOC220729	chr3:197340897-197354752	-0.321887	0.999791
XLOC_008265	XLOC_008265	CRISPLD2	chr16:84853586-84943116	-0.321825	1
XLOC_016568	XLOC_016568	MSMO1	chr4:166248817-166264314	-0.321623	0.842042
XLOC_002495	XLOC_002495	HKDC1	chr10:70980058-71027315	-0.321537	0.999791
XLOC_023326	XLOC_023326	CYBB	chrX:37639269-37672714	-0.320544	1
XLOC_023986	XLOC_023986	BEX5	chrX:101408678-101410986	-0.320151	0.999791
XLOC_011056	XLOC_011056	C19orf81	chr19:51152701-51162567	-0.320098	0.999791
XLOC_003611	XLOC_003611	TIGD3	chr11:65122281-65125082	-0.31966	0.999791
XLOC_004445	XLOC_004445	SYTL2	chr11:85405264-85522178	-0.319499	0.999791
XLOC_009893	XLOC_009893	BRIP1	chr17:59756546-59940920	-0.319209	0.999791
XLOC_016578	XLOC_016578	SAP30	chr4:174292092-174298683	-0.319082	0.910882
XLOC_011701	XLOC_011701	POU2F2	chr19:42590261-42636625	-0.318716	1
XLOC_008682	XLOC_008682	TMEM170A	chr16:75480922-75498584	-0.318364	0.999791
XLOC_002581	XLOC_002581	IFIT3	chr10:91087601-91100725	-0.31791	1
XLOC_013519	XLOC_013519	C20orf196	chr20:5731042-5844559	-0.317541	0.999791
XLOC_021976	XLOC_021976	PLAT	chr8:42032235-42065194	-0.317409	0.999791
XLOC_009986	XLOC_009986	RNF157	chr17:74132414-74236390	-0.317316	0.999791
XLOC_003050	XLOC_003050	FGFBP3	chr10:93666344-93669258	-0.316953	0.999791
XLOC_008122	XLOC_008122	MT1JP	chr16:56669650-56670998	-0.3168	0.999791
XLOC_016926	XLOC_016926	ANKRD50	chr4:125585203-125633887	-0.316575	0.999791
XLOC_005644	XLOC_005644	TMPO-AS1	chr12:98906750-98944157	-0.316238	0.999791
XLOC_009465	XLOC_009465	SAT2	chr17:7494547-7536700	-0.316214	0.999791
XLOC_008744	XLOC_008744	DBIL5P	chr17:655572-658576	-0.316078	1
XLOC_016750	XLOC_016750	NMU	chr4:564611397-56502465	-0.315643	0.999791
XLOC_009542	XLOC_009542	TBC1D28	chr17:18538841-18547740	-0.31556	1
XLOC_005959	XLOC_005959	DNAJC3	chr13:96329392-96447243	-0.315537	0.886909
XLOC_000092	XLOC_000092	TNFRSF8	chr1:12123433-12204264	-0.315372	1

XLOC_000845	XLOC_000845	HSD17B7	chr1:162760495-162782608	-0.315102	0.999791
XLOC_018710	XLOC_018710	ZKSCAN4	chr6:28212489-28220002	-0.314939	0.999791
XLOC_015207	XLOC_015207	CRYBG3	chr3:97540883-97691295	-0.314751	1
XLOC_010151	XLOC_010151	CABYR	chr18:21718954-21741564	-0.314743	0.999791
XLOC_001535	XLOC_001535	TRABD2B	chr1:48226199-48462562	-0.314738	1
XLOC_001040	XLOC_001040	ATF3	chr1:212738675-212794119	-0.314573	0.963707
XLOC_020845	XLOC_020845	ATP6V0E2	chr7:149564782-149577787	-0.31456	1
XLOC_003491	XLOC_003491	RTN4RL2	chr11:57228338-57244384	-0.314473	0.999791
XLOC_001497	XLOC_001497	SLC2A1	chr1:43391045-43449029	-0.314464	0.924846
XLOC_021383	XLOC_021383	PDIA4	chr7:148700153-148725782	-0.314357	0.910882
XLOC_015138	XLOC_015138	PHF7	chr3:52444526-52457657	-0.314052	0.999791
XLOC_023855	XLOC_023855	SYP	chrX:49044264-49056661	-0.313802	1
XLOC_009844	XLOC_009844	MRPL27	chr17:48445227-48450562	-0.313701	0.896633
XLOC_008815	XLOC_008815	SPEM1	chr17:7323678-7324951	-0.313503	0.999791
XLOC_005636	XLOC_005636	NTN4	chr12:96043030-96184536	-0.313272	0.999791
XLOC_017796	XLOC_017796	LOC553103	chr5:131630144-131731306	-0.312841	1
XLOC_002108	XLOC_002108	PHLDA3	chr1:201434606-201438299	-0.312733	0.910882
XLOC_014594	XLOC_014594	SREBF2	chr22:42229105-42302375	-0.312505	0.870313
XLOC_009406	XLOC_009406	ITGAE	chr17:3617918-3704537	-0.312379	0.999791
XLOC_010928	XLOC_010928	PVRL2	chr19:45349392-45392485	-0.312256	0.891812
XLOC_020356	XLOC_020356	ZNF815P	chr7:5862790-5894066	-0.312092	0.999791
XLOC_020851	XLOC_020851	LOC728743	chr7:150102839-150109558	-0.311715	0.999791
XLOC_001695	XLOC_001695	AMIGO1	chr1:110049445-110052336	-0.311522	0.999791
XLOC_002332	XLOC_002332	PFKFB3	chr10:6186842-6277507	-0.311454	0.886909
XLOC_000516	XLOC_000516	LOC100129046	chr1:94027342-94312706	-0.31141	1
XLOC_001770	XLOC_001770	GPR89A	chr1:145764594-145827103	-0.310862	0.999791
XLOC_009338	XLOC_009338	TSPAN10	chr17:79609348-79615779	-0.310544	0.999791
XLOC_012642	XLOC_012642	SLC11A1	chr2:219246751-219261617	-0.309911	1
XLOC_003231	XLOC_003231	NS3BP	chr1:1779453-780755	-0.309281	0.999791
XLOC_005982	XLOC_005982	LINC00460	chr13:107028910-107030142	-0.309217	0.999791
XLOC_017277	XLOC_017277	DMXL1	chr5:118407083-118584822	-0.308907	0.999791
XLOC_000359	XLOC_000359	LOC400752	chr1:45769581-45771291	-0.308863	0.999791
XLOC_008722	XLOC_008722	SNAI3	chr16:88729780-88753594	-0.308724	0.999791
XLOC_002278	XLOC_002278	AKT3	chr1:243419306-244006886	-0.308482	0.999791
XLOC_005849	XLOC_005849	STAR13-AS	chr13:33677271-34250932	-0.308303	1
XLOC_010131	XLOC_010131	LDLRAD4	chr18:13218728-13652753	-0.308075	1
XLOC_018867	XLOC_018867	TFEB	chr6:41651715-41703997	-0.30792	0.999791
XLOC_005201	XLOC_005201	LOC100130238	chr12:132680916-132905905	-0.307863	1
XLOC_021784	XLOC_021784	BREA2	chr8:144779284-144780583	-0.307697	0.999791
XLOC_006457	XLOC_006457	FLVCR2	chr14:76044939-76114512	-0.307672	0.999791
XLOC_014862	XLOC_014862	NFAM1	chr22:42776413-42828401	-0.307592	1
XLOC_015292	XLOC_015292	FAM162A	chr3:122103022-122128961	-0.307383	0.969721
XLOC_010801	XLOC_010801	ARHGAP33	chr19:36266416-36279724	-0.307376	0.999791
XLOC_018660	XLOC_018660	MBOAT1	chr6:20099915-20212695	-0.30736	0.999791
XLOC_015958	XLOC_015958	RAB6B	chr3:133543079-133614691	-0.307226	0.999791
XLOC_014357	XLOC_014357	LOC284837	chr21:45225638-45232448	-0.307125	1
XLOC_021769	XLOC_021769	PSCA	chr8:143751725-143764145	-0.307035	0.999791
XLOC_020794	XLOC_020794	TAS2R4	chr7:141478288-141479188	-0.306342	1
XLOC_018499	XLOC_018499	ENPP1	chr6:132129155-132216295	-0.306184	0.999791
XLOC_021188	XLOC_021188	KPNA7	chr7:98771196-98805089	-0.306183	1
XLOC_003225	XLOC_003225	RASSF7	chr1:1560970-564025	-0.306179	0.949191
XLOC_022886	XLOC_022886	TRPM6	chr9:77337410-77503010	-0.30592	1
XLOC_018537	XLOC_018537	STX11	chr6:144471653-144513076	-0.305502	1
XLOC_024117	XLOC_024117	MCF2	chrX:138663929-138790381	-0.305225	1
XLOC_021125	XLOC_021125	TMEM120A	chr7:75544419-75623992	-0.305094	0.999791
XLOC_006274	XLOC_006274	ABHD4	chr14:23067146-23081265	-0.305075	0.999791
XLOC_003348	XLOC_003348	NUCB2	chr11:17298285-17353070	-0.304578	0.993188
XLOC_007637	XLOC_007637	PARP16	chr15:65550436-65579018	-0.304531	0.999791
XLOC_005267	XLOC_005267	POU5F1P3	chr12:8276227-8291203	-0.304467	1
XLOC_000601	XLOC_000601	LRIG2	chr1:113615830-113667342	-0.304081	0.999791
XLOC_023480	XLOC_023480	JPX	chrX:73164158-73513409	-0.303406	0.999791
XLOC_017126	XLOC_017126	ITGA1,PELO	chr5:52083773-52249485	-0.303094	0.934472
XLOC_000637	XLOC_000637	TXNIP	chr1:145438461-145442628	-0.303066	0.957042
XLOC_020830	XLOC_020830	ARHGFE5	chr7:144052488-144077725	-0.302798	0.999791
XLOC_003551	XLOC_003551	FADS2	chr1:161595712-61634825	-0.302404	0.999791
XLOC_013929	XLOC_013929	E2F1	chr20:32263291-32274210	-0.302086	0.973489
XLOC_013828	XLOC_013828	PROSAP1P1	chr20:3143272-3149207	-0.302024	0.999791
XLOC_010575	XLOC_010575	ICAM4	chr19:10397642-10399260	-0.302026	1
XLOC_008749	XLOC_008749	PITPNA-AS1	chr17:1420212-1466110	-0.301978	0.999791
XLOC_009766	XLOC_009766	MPP2	chr17:41952726-41985113	-0.301958	0.999791
XLOC_000779	XLOC_000779	HAPLN2	chr1:156589085-156595517	-0.301914	1
XLOC_004570	XLOC_004570	H2AFX	chr1:118964584-118966177	-0.301875	0.891812
XLOC_009683	XLOC_009683	KRT10	chr17:38974368-38992526	-0.301829	0.999791
XLOC_022719	XLOC_022719	ERMP1	chr9:5784571-5833081	-0.301806	0.993188
XLOC_002196	XLOC_002196	DUSP10	chr1:221874763-221915516	-0.301601	0.999791
XLOC_022980	XLOC_022980	BAAT	chr9:104122698-104147287	-0.301582	1
XLOC_003099	XLOC_003099	PDZD7	chr10:102756863-102790914	-0.301553	0.999791
XLOC_006781	XLOC_006781	TRAPPC6B	chr14:39617014-39639634	-0.301545	0.999791
XLOC_022330	XLOC_022330	UNC13B	chr9:35161988-35405332	-0.301497	0.999791

XLOC_010618	XLOC_010618	CALR	chr19:13049413-13055304	-0.301329	0.999791
XLOC_018817	XLOC_018817	MNF1	chr6:33664537-33679528	-0.301312	0.949191
XLOC_010915	XLOC_010915	ZNF224	chr19:44598481-44617336	-0.301259	1
XLOC_024032	XLOC_024032	SLC25A5-AS1	chrX:118599995-118605359	-0.300825	1
XLOC_004672	XLOC_004672	CD27	chr12:6548166-6560884	-0.300459	1
XLOC_022973	XLOC_022973	TBC1D2	chr9:100961279-101018003	-0.300408	0.999791
XLOC_013665	XLOC_013665	MYBL2	chr20:42295708-42345122	-0.300386	0.934472
XLOC_015642	XLOC_015642	E1F1B-AS1	chr3:39851302-40353915	-0.299997	1
XLOC_024228	XLOC_024228	PCDH11Y	chrY:4868266-5610264	-0.29972	1
XLOC_018302	XLOC_018302	CNPY3	chr6:42896859-42907008	-0.299527	0.914868
XLOC_013205	XLOC_013205	IFIH1	chr2:163123588-163175218	-0.29942	0.999791
XLOC_005638	XLOC_005638	HAL	chr12:96366439-96390143	-0.299213	1
XLOC_010012	XLOC_010012	RBFOX3	chr17:77085426-77478563	-0.298823	1
XLOC_007262	XLOC_007262	SMAD6	chr15:66994673-67074337	-0.298777	0.999791
XLOC_013634	XLOC_013634	MYL9	chr20:35169886-35178226	-0.29874	0.91464
XLOC_017737	XLOC_017737	LYSM2	chr5:89811444-89825401	-0.298526	0.999791
XLOC_012569	XLOC_012569	SLC39A10	chr2:196521531-196602426	-0.298522	0.999791
XLOC_009189	XLOC_009189	MSI2	chr17:55333930-55757299	-0.298379	0.999791
XLOC_022536	XLOC_022536	PTGS1	chr9:125132808-125157982	-0.29762	1
XLOC_018382	XLOC_018382	LOC100506804	chr6:75994729-76001580	-0.297452	1
XLOC_013972	XLOC_013972	EMILIN3	chr20:39969559-39995498	-0.297285	0.999791
XLOC_004012	XLOC_004012	HBE1	chr11:5289579-5291373	-0.297225	0.978746
XLOC_009486	XLOC_009486	MYH10	chr17:8377522-8534079	-0.297192	1
XLOC_015814	XLOC_015814	FOXP1	chr3:71003864-71633140	-0.297192	0.999791
XLOC_017763	XLOC_017763	PJA2	chr5:108670409-108745675	-0.297183	0.999791
XLOC_005684	XLOC_005684	USP30-AS1	chr12:109489845-109525831	-0.296955	1
XLOC_017247	XLOC_017247	RGMB	chr5:98104998-98132198	-0.296265	0.993188
XLOC_008681	XLOC_008681	CFDP1	chr16:75327607-75467387	-0.296076	0.957042
XLOC_021935	XLOC_021935	FBXO16	chr8:28285925-28347835	-0.295914	0.999791
XLOC_011329	XLOC_011329	PLIN5	chr19:4522543-4535208	-0.295781	0.999791
XLOC_000606	XLOC_000606	OLFML3	chr11:114522029-114524875	-0.295648	1
XLOC_014446	XLOC_014446	LOC648691	chr22:22901755-22909007	-0.295479	1
XLOC_022641	XLOC_022641	CACFD1	chr9:136325086-136335909	-0.294966	0.999791
XLOC_008410	XLOC_008410	CARHSP1	chr16:8946801-8962863	-0.294809	0.969721
XLOC_014063	XLOC_014063	CABLES2	chr20:60963685-60982339	-0.294355	0.999791
XLOC_006826	XLOC_006826	KTN1-AS1	chr14:56042874-56046810	-0.294112	0.999791
XLOC_017386	XLOC_017386	PCDHB15	chr5:140625146-140627801	-0.294036	1
XLOC_011427	XLOC_011427	TMED1	chr19:10943113-10946983	-0.293806	0.999791
XLOC_002103	XLOC_002103	ASCL5	chr11:201083080-201084500	-0.293582	0.999791
XLOC_017430	XLOC_017430	GPX3	chr5:150399998-150408554	-0.293565	1
XLOC_015374	XLOC_015374	RASA2	chr3:141205925-141331197	-0.293387	0.999791
XLOC_006295	XLOC_006295	FITM1	chr14:24600674-24602058	-0.293379	0.999791
XLOC_022895	XLOC_022895	GNAQ	chr9:80335190-80646219	-0.293182	0.999791
XLOC_018374	XLOC_018374	SMAP1	chr6:71377478-71666788	-0.293163	0.999791
XLOC_011416	XLOC_011416	RAVER1	chr19:10426888-10444314	-0.292968	0.956701
XLOC_021369	XLOC_021369	CTAGE6P	chr7:143452181-143454843	-0.29291	1
XLOC_013934	XLOC_013934	NCOA6	chr20:33302577-33413433	-0.292799	0.999791
XLOC_004962	XLOC_004962	SRGAP1	chr12:64238540-64541613	-0.292746	0.999791
XLOC_008640	XLOC_008640	SMPD3	chr16:68392229-68482409	-0.29257	0.999791
XLOC_002522	XLOC_002522	PLAU	chr10:75669726-75682535	-0.292372	0.956701
XLOC_022042	XLOC_022042	SBSPON	chr8:73976777-74005507	-0.292323	1
XLOC_011607	XLOC_011607	U2AF1L4	chr19:36233427-36236336	-0.29209	0.999791
XLOC_008516	XLOC_008516	SEPT1	chr16:30389453-30411429	-0.292032	0.999791
XLOC_001291	XLOC_001291	UQCRHL	chr1:16133656-16134194	-0.291777	0.999791
XLOC_000987	XLOC_000987	ATP2B4	chr11:203595914-203713209	-0.290835	0.999791
XLOC_005972	XLOC_005972	ZIC2	chr13:100634025-100639019	-0.290495	0.999791
XLOC_010136	XLOC_010136	ANKRD20A5P	chr18:14179095-14227049	-0.290256	1
XLOC_012762	XLOC_012762	FAM110C	chr2:38813-46588	-0.290223	0.999791
XLOC_012286	XLOC_012286	KDM3A	chr2:86668270-86719839	-0.290108	0.988021
XLOC_023162	XLOC_023162	DKFZP434A062	chr9:139216997-139221779	-0.289958	1
XLOC_006837	XLOC_006837	CCDC175	chr14:59951160-60043549	-0.289879	0.999791
XLOC_018639	XLOC_018639	TFAP2A	chr6:10396915-10419797	-0.289558	0.999791
XLOC_017278	XLOC_017278	TNFAIP8	chr5:118604417-118730294	-0.289465	0.999791
XLOC_011621	XLOC_011621	ZFP14	chr19:36825354-36870105	-0.289412	1
XLOC_011909	XLOC_011909	ZNF649	chr19:52392487-52408305	-0.289357	1
XLOC_010772	XLOC_010772	ZNF30	chr19:35417806-35436076	-0.28896	0.999791
XLOC_022057	XLOC_022057	PAG1	chr8:81880045-82024303	-0.287902	1
XLOC_007158	XLOC_007158	OIP5-AS1	chr15:41576200-41591795	-0.287894	0.999791
XLOC_001002	XLOC_001002	LOC284581	chr11:205831206-205865215	-0.287583	1
XLOC_000627	XLOC_000627	FAM72B	chr11:120839004-120855681	-0.287463	0.999791
XLOC_004849	XLOC_004849	DAZAP2	chr12:51632507-51664202	-0.287428	0.999791
XLOC_011553	XLOC_011553	LPAR2	chr19:19734465-19739039	-0.28702	0.999791
XLOC_008678	XLOC_008678	LDHD	chr16:75145757-75150670	-0.286933	0.999791
XLOC_017875	XLOC_017875	PRELID2	chr5:145138581-145214899	-0.286882	0.999791
XLOC_008119	XLOC_008119	MT1L	chr16:56651372-56652730	-0.286741	0.999617
XLOC_006417	XLOC_006417	SLC39A9	chr14:69865095-69929107	-0.286452	0.999791
XLOC_023814	XLOC_023814	BCOR	chrX:39910498-40036582	-0.286437	0.999791
XLOC_001740	XLOC_001740	IGSF3	chr11:117117030-117210314	-0.286297	0.999791
XLOC_017744	XLOC_017744	TTC37	chr5:94799598-94890709	-0.286191	0.999791

XLOC_007916	XLOC_007916	DNASE1	chr16:3702939-3767598	-0.28608	0.999791
XLOC_019131	XLOC_019131	STXBPS-AS1	chr6:147162524-147711612	-0.286068	1
XLOC_008169	XLOC_008169	FBXL8,HSF4	chr16:67193890-67203848	-0.286061	0.999791
XLOC_003326	XLOC_003326	WEE1	chr11:9595227-9611313	-0.286055	0.9731
XLOC_011679	XLOC_011679	HIPK4	chr19:40885177-40896094	-0.286024	1
XLOC_001302	XLOC_001302	NBPF1	chr1:16890411-16939982	-0.285848	0.999791
XLOC_012847	XLOC_012847	FNDC4	chr2:27714749-27718126	-0.285826	0.999791
XLOC_014775	XLOC_014775	PIK3IP1	chr22:31677578-31688520	-0.2858	0.999791
XLOC_016955	XLOC_016955	SLC10A7	chr4:147175136-147443123	-0.285574	0.999791
XLOC_022310	XLOC_022310	LOC100129250	chr9:32540541-32553015	-0.285559	0.999791
XLOC_010409	XLOC_010409	CYB5A	chr18:71920526-71959251	-0.284929	0.999791
XLOC_009479	XLOC_009479	LINC00324	chr17:8123947-8127361	-0.284362	0.999791
XLOC_014229	XLOC_014229	DIP2A-IT1	chr21:47878861-47989926	-0.284276	1
XLOC_001003	XLOC_001003	FAM72A	chr1:206138910-206155074	-0.284111	0.999791
XLOC_015125	XLOC_015125	RAD54L2	chr3:51575595-51697612	-0.283771	1
XLOC_005251	XLOC_005251	CDCA3	chr12:6957971-6960456	-0.28359	0.999791
XLOC_016524	XLOC_016524	MMAA	chr4:146540539-146681187	-0.283211	0.999791
XLOC_013024	XLOC_013024	REEP1	chr2:86441119-86565206	-0.283177	0.999791
XLOC_006340	XLOC_006340	FANCM	chr14:45605135-45670093	-0.283071	0.999791
XLOC_022284	XLOC_022284	LURAP1L	chr9:12775011-12823059	-0.282326	0.999791
XLOC_004390	XLOC_004390	ANAPC15	chr11:71709957-71823822	-0.282218	0.999791
XLOC_021133	XLOC_021133	RSBN1L-AS1	chr7:77313167-77409120	-0.282205	0.999791
XLOC_009665	XLOC_009665	PGAP3	chr17:37827374-37844310	-0.282041	0.999791
XLOC_002523	XLOC_002523	VCL	chr10:75757871-75879914	-0.281932	0.982326
XLOC_000751	XLOC_000751	EFNA4	chr1:155006281-155042029	-0.281915	0.999791
XLOC_023375	XLOC_023375	HDAC6	chrX:48660486-48683380	-0.281813	0.999791
XLOC_010275	XLOC_010275	MYOM1	chr18:3066804-3220106	-0.281701	1
XLOC_003990	XLOC_003990	RHOG	chr11:3848207-3862213	-0.281437	0.999791
XLOC_017955	XLOC_017955	NKX2-5	chr5:172659106-172662315	-0.281106	0.999791
XLOC_012977	XLOC_012977	RAB11FIP5	chr2:73300509-73340146	-0.280886	0.993188
XLOC_009088	XLOC_009088	IFI35	chr17:41158741-41166476	-0.280882	0.999791
XLOC_022991	XLOC_022991	ABCA1	chr9:107543283-107690527	-0.280826	1
XLOC_014587	XLOC_014587	TEF	chr22:41763336-41795332	-0.280521	0.999791
XLOC_002444	XLOC_002444	AGAP9	chr10:48215723-48237508	-0.280421	1
XLOC_014660	XLOC_014660	CECR6	chr22:17597188-17602257	-0.280337	0.999791
XLOC_003325	XLOC_003325	ZNF143	chr1:9482511-9550071	-0.280099	0.999791
XLOC_004682	XLOC_004682	LEPREL2	chr12:6937571-6949018	-0.28001	0.999791
XLOC_004687	XLOC_004687	DSTNP2	chr12:6993845-6994950	-0.279845	0.999791
XLOC_000085	XLOC_000085	FBXO6	chr1:11724149-11734409	-0.279804	0.999791
XLOC_014402	XLOC_014402	USP18	chr22:18632757-18660162	-0.279658	0.999791
XLOC_008794	XLOC_008794	FAM64A	chr17:6347734-6354385	-0.279651	0.999791
XLOC_002169	XLOC_002169	KCNH1	chr1:210851656-211307457	-0.279648	1
XLOC_009573	XLOC_009573	SPAG5	chr17:26904582-26926056	-0.279602	0.993188
XLOC_008828	XLOC_008828	SHBG	chr17:7494547-7536700	-0.279517	0.999791
XLOC_007267	XLOC_007267	SKOR1	chr15:68112041-68126174	-0.279479	0.999791
XLOC_006111	XLOC_006111	LCP1	chr13:46700057-46756459	-0.279309	0.999791
XLOC_015996	XLOC_015996	HLTF	chr3:148747903-148820610	-0.278765	1
XLOC_009226	XLOC_009226	MAP3K3	chr17:61699800-61777519	-0.278737	0.999791
XLOC_012094	XLOC_012094	KHK	chr2:27309610-27341995	-0.278638	0.999791
XLOC_022811	XLOC_022811	FANCG	chr9:35073834-35080013	-0.27827	0.999791
XLOC_022993	XLOC_022993	KLF4	chr9:110247132-110252047	-0.278139	0.999791
XLOC_023846	XLOC_023846	PIM2	chrX:48770458-48776413	-0.278067	0.999791
XLOC_000944	XLOC_000944	RGS2	chr1:192778168-192781407	-0.277908	0.999791
XLOC_010007	XLOC_010007	TIMP2	chr17:76849058-76921472	-0.277625	0.999791
XLOC_009492	XLOC_009492	STX8	chr17:9153787-9479275	-0.27742	0.999791
XLOC_001271	XLOC_001271	KIAA2013	chr1:11979644-11986485	-0.27733	0.993188
XLOC_008417	XLOC_008417	SOCS1	chr16:11348273-11350039	-0.277005	0.999791
XLOC_016392	XLOC_016392	CCNG2	chr4:78078356-78091213	-0.276998	0.999791
XLOC_008435	XLOC_008435	KIAA0430	chr16:15688225-15737023	-0.276929	0.999791
XLOC_009912	XLOC_009912	ERN1	chr17:62120389-62207502	-0.276923	1
XLOC_000758	XLOC_000758	HCN3	chr1:155247217-155271225	-0.276761	0.999791
XLOC_008554	XLOC_008554	SHCBP1	chr16:46614467-46655311	-0.276707	0.999791
XLOC_022619	XLOC_022619	PPAPDC3	chr9:134165080-134184649	-0.276678	1
XLOC_021347	XLOC_021347	JHDM1D	chr7:139784545-139876741	-0.276591	0.999791
XLOC_002231	XLOC_002231	CCSAP	chr1:229456751-229478688	-0.276475	0.999791
XLOC_006719	XLOC_006719	PPP1R3E	chr14:23765111-23772057	-0.276421	0.999791
XLOC_005701	XLOC_005701	MYL2	chr12:111348623-111358404	-0.276164	1
XLOC_011317	XLOC_011317	DAPK3	chr19:3958451-3969826	-0.275979	0.999791
XLOC_003906	XLOC_003906	HYLS1	chr11:125753508-125773116	-0.275572	0.999791
XLOC_007510	XLOC_007510	PLCB2	chr15:40580097-40600174	-0.275548	1
XLOC_004550	XLOC_004550	BACE1	chr11:117103403-117186972	-0.275406	0.999791
XLOC_015150	XLOC_015150	CACNA1D	chr3:53529075-53846492	-0.275309	1
XLOC_010005	XLOC_010005	CYTH1	chr17:76670129-76778376	-0.275305	0.999791
XLOC_023275	XLOC_023275	CA5B	chrX:15756411-15805748	-0.275244	0.999791
XLOC_011832	XLOC_011832	C19orf73	chr19:49617617-49622397	-0.275106	0.999791
XLOC_004038	XLOC_004038	TPP1	chr1:6633996-6640692	-0.275101	0.993188
XLOC_018182	XLOC_018182	DPCR1	chr6:30908776-30921998	-0.274883	1
XLOC_021495	XLOC_021495	FGF17	chr8:21900427-21906319	-0.274755	0.999791
XLOC_002587	XLOC_002587	RPP30	chr10:92631708-92668312	-0.274709	0.999791

XLOC_010935	XLOC_010935	RELB	chr19:45504706-45541456	-0.274702	0.999791
XLOC_014476	XLOC_014476	CRYBB2	chr22:25615611-25627836	-0.274318	0.999791
XLOC_000598	XLOC_000598	MOV10	chr1:113217047-113243368	-0.274259	0.993188
XLOC_008181	XLOC_008181	PARD6A	chr16:67694850-67696681	-0.27405	0.999791
XLOC_007175	XLOC_007175	TUBGCP4	chr15:43663312-43910998	-0.273991	0.999791
XLOC_020601	XLOC_020601	AKAP9	chr7:91570188-91739987	-0.273841	0.999791
XLOC_011977	XLOC_011977	ZNF784	chr19:56132106-56135941	-0.273577	0.999791
XLOC_020588	XLOC_020588	CROT	chr7:86974950-87029112	-0.273414	0.999791
XLOC_017520	XLOC_017520	N4BP3	chr5:177540555-177553107	-0.273355	0.999791
XLOC_014182	XLOC_014182	FAM3B	chr21:42688660-42729654	-0.273258	1
XLOC_015377	XLOC_015377	ATP1B3	chr3:141595469-141645382	-0.27325	0.999791
XLOC_017582	XLOC_017582	DNAH5	chr5:13690436-13944589	-0.273199	1
XLOC_023433	XLOC_023433	RRAGB	chrX:55744109-55785207	-0.273131	0.999791
XLOC_009076	XLOC_009076	CNTNAP1	chr17:40834631-40852011	-0.273075	0.999791
XLOC_002064	XLOC_002064	RNASEL	chr1:182542768-182558394	-0.27287	0.999791
XLOC_023378	XLOC_023378	CCDC120	chrX:48910960-48927510	-0.272744	1
XLOC_016722	XLOC_016722	ATP8A1	chr4:42410391-42659122	-0.272734	1
XLOC_016902	XLOC_016902	CAMK2D	chr4:114372187-114683083	-0.272694	0.999791
XLOC_012973	XLOC_012973	PAIP2B	chr2:71409867-71454233	-0.272593	0.999791
XLOC_008507	XLOC_008507	YPEL3	chr16:30103634-30107537	-0.272447	0.999791
XLOC_003586	XLOC_003586	FKBP2	chr11:64008412-64011607	-0.272403	0.999791
XLOC_022110	XLOC_022110	SNORA72	chr8:99053937-99057818	-0.272362	0.999791
XLOC_001548	XLOC_001548	ORC1	chr1:52838500-52870143	-0.272074	0.999791
XLOC_014407	XLOC_014407	TSSK2	chr22:19117791-19132190	-0.271957	0.999791
XLOC_001914	XLOC_001914	NES	chr1:156638555-156647189	-0.271853	0.999791
XLOC_012252	XLOC_012252	WDR54	chr2:74648884-74652882	-0.271616	0.999791
XLOC_022480	XLOC_022480	MURC	chr9:103340335-103350173	-0.271538	1
XLOC_002641	XLOC_002641	LINC00263	chr10:102133332-102148111	-0.27142	0.999791
XLOC_016027	XLOC_016027	TIPARP-AS1	chr3:156390959-156424557	-0.271255	1
XLOC_011725	XLOC_011725	PHLDB3	chr19:43979254-44008985	-0.27071	0.999791
XLOC_002545	XLOC_002545	DYDC2	chr10:82095860-82127829	-0.270622	1
XLOC_017999	XLOC_017999	C5orf45	chr5:179224597-179285840	-0.270528	0.999791
XLOC_003631	XLOC_003631	DRAP1	chr1:65688672-65689048	-0.270506	0.999791
XLOC_000902	XLOC_000902	C1orf220	chr1:178511930-178518024	-0.270369	1
XLOC_017016	XLOC_017016	CLDN22	chr4:184020462-184241929	-0.270166	0.999791
XLOC_003144	XLOC_003144	C10orf118	chr10:115881973-115934364	-0.2696	1
XLOC_010880	XLOC_010880	TMEM91	chr19:41860321-41889987	-0.269356	0.999791
XLOC_002239	XLOC_002239	TTC13	chr1:231041986-231114618	-0.269234	0.999791
XLOC_019081	XLOC_019081	CTGF	chr6:132269316-132272518	-0.268922	0.999791
XLOC_009667	XLOC_009667	IKZF3	chr17:37913967-38020441	-0.268719	1
XLOC_000574	XLOC_000574	CSF1	chr1:110453232-110473616	-0.268672	0.999791
XLOC_022977	XLOC_022977	LOC441461	chr9:102648599-102668883	-0.268622	0.999791
XLOC_007116	XLOC_007116	HERC2P10	chr15:31110238-31119986	-0.268236	1
XLOC_015696	XLOC_015696	NCKIPSD	chr3:48711277-48723334	-0.268222	0.999791
XLOC_001609	XLOC_001609	LRRIQ3	chr1:74491701-74663871	-0.268079	1
XLOC_006360	XLOC_006360	CGRF1	chr14:54976586-55005334	-0.26807	0.999791
XLOC_018827	XLOC_018827	C6orf106	chr6:34555065-34664625	-0.267743	0.999791
XLOC_012824	XLOC_012824	DNMT3A	chr2:25455829-25565459	-0.267541	0.999791
XLOC_006902	XLOC_006902	C14orf1	chr14:76117232-76127538	-0.267386	0.999791
XLOC_014546	XLOC_014546	LGALS1	chr22:38071612-38075809	-0.267174	0.999791
XLOC_001804	XLOC_001804	CTSS	chr1:150702671-150738433	-0.26717	1
XLOC_014545	XLOC_014545	PDXP	chr22:38054736-38062939	-0.266934	0.999791
XLOC_010807	XLOC_010807	WDR62	chr19:36545782-36596012	-0.266927	0.999791
XLOC_000886	XLOC_000886	SUCO	chr1:172502259-172580973	-0.266896	0.999791
XLOC_012615	XLOC_012615	CREB1	chr2:208394615-208470284	-0.266671	0.999791
XLOC_000959	XLOC_000959	NR5A2	chr1:199996729-200146550	-0.266666	1
XLOC_006714	XLOC_006714	CDH24	chr14:23516269-23526747	-0.266623	0.999791
XLOC_009585	XLOC_009585	DHRS13	chr17:27224798-27230089	-0.266581	0.999791
XLOC_008669	XLOC_008669	PMFBP1	chr16:72152995-72206349	-0.266417	1
XLOC_023767	XLOC_023767	FIGF_PIR	chrX:15363712-15511711	-0.266339	0.999791
XLOC_021804	XLOC_021804	GPT	chr8:145729464-145732555	-0.265925	1
XLOC_015624	XLOC_015624	GLB1_TMPPE	chr3:33038099-33138694	-0.265764	0.999791
XLOC_003987	XLOC_003987	ART5	chr11:3659735-3663546	-0.265744	0.999791
XLOC_023106	XLOC_023106	CCBL1	chr9:131595391-131644354	-0.265664	0.999791
XLOC_005256	XLOC_005256	C1R	chr12:7187514-7245043	-0.265517	0.999791
XLOC_002907	XLOC_002907	BMS1P5	chr10:46737612-46762892	-0.265363	1
XLOC_014550	XLOC_014550	GCAT	chr22:38203911-38213183	-0.265362	0.999791
XLOC_011663	XLOC_011663	PAF1	chr19:39876269-39881835	-0.264845	0.999791
XLOC_009118	XLOC_009118	CRHR1	chr17:43697709-43913194	-0.264608	0.999791
XLOC_005710	XLOC_005710	RASAL1	chr12:113536623-113574044	-0.264457	1
XLOC_020826	XLOC_020826	CTAGE4	chr7:143880547-143883173	-0.264358	1
XLOC_003583	XLOC_003583	NUDT22	chr1:63993729-63997488	-0.264295	0.999791
XLOC_005646	XLOC_005646	ANKS1B	chr12:99039077-100378432	-0.264086	0.999791
XLOC_020354	XLOC_020354	SLC29A4	chr7:5322560-5343704	-0.264062	0.999791
XLOC_014683	XLOC_014683	ARVCF	chr22:19863039-20004309	-0.26402	0.999791
XLOC_001796	XLOC_001796	MTMR11	chr1:149900542-149908791	-0.263828	0.999791
XLOC_020419	XLOC_020419	PRR15	chr7:29603426-29606911	-0.263726	0.999791
XLOC_010729	XLOC_010729	LOC400680	chr19:21666516-21686040	-0.263528	0.999791
XLOC_004256	XLOC_004256	RAB31L1	chr11:61664767-61687741	-0.263405	0.999791

XLOC_009278	XLOC_009278	ARMC7	chr17:73106081-73127890	-0.263395	0.999791
XLOC_023632	XLOC_023632	FHL1	chrX:135228860-135293518	-0.263339	1
XLOC_021174	XLOC_021174	SLC25A13	chr7:95749531-95951459	-0.263305	0.999791
XLOC_005842	XLOC_005842	B3GALTL	chr13:31774111-31906411	-0.263279	0.999791
XLOC_007274	XLOC_007274	GLCE	chr15:69116302-69564544	-0.263279	0.999791
XLOC_002886	XLOC_002886	ZNF33BP1	chr10:38065453-38147012	-0.262906	1
XLOC_008415	XLOC_008415	TVP23A	chr16:10837697-10912621	-0.262829	1
XLOC_001805	XLOC_001805	CTSK	chr1:150768683-150780917	-0.262815	0.999791
XLOC_002908	XLOC_002908	SYT15	chr10:46955443-46970601	-0.262806	0.999791
XLOC_023367	XLOC_023367	EBP	chrX:48380163-48387104	-0.262806	0.999791
XLOC_023048	XLOC_023048	GGTA1P	chr9:124217318-124262306	-0.262296	1
XLOC_014820	XLOC_014820	TMEM184B	chr22:38615297-38669040	-0.261985	0.999791
XLOC_022978	XLOC_022978	ERP44	chr9:102741462-102861330	-0.261743	0.999791
XLOC_004880	XLOC_004880	HOXC10	chr12:54378945-54384062	-0.261714	0.999791
XLOC_017738	XLOC_017738	ARRDC3	chr5:90664540-90716532	-0.261671	0.999791
XLOC_010952	XLOC_010952	CCDC61	chr19:46498718-46521874	-0.261582	0.999791
XLOC_021377	XLOC_021377	CTAGE4	chr7:143955788-143983096	-0.261338	1
XLOC_016093	XLOC_016093	EHHADH	chr3:184880688-184971886	-0.261212	0.999791
XLOC_015015	XLOC_015015	CTDSPL	chr3:37903668-38025960	-0.260953	0.999791
XLOC_003077	XLOC_003077	AVP11	chr10:99437180-99447015	-0.260892	0.999791
XLOC_006865	XLOC_006865	RDH11	chr14:68143518-68162510	-0.260879	0.999791
XLOC_004145	XLOC_004145	TRAF6	chr11:36505316-36531863	-0.260516	0.999791
XLOC_009523	XLOC_009523	ZNF624	chr17:16524047-16557167	-0.26047	0.999791
XLOC_012833	XLOC_012833	OST4	chr2:27274490-27294567	-0.260358	0.999791
XLOC_003916	XLOC_003916	KCNJ5	chr11:128761312-128787951	-0.260333	1
XLOC_000694	XLOC_000694	CGN	chr1:151483861-151511167	-0.260199	0.999791
XLOC_008273	XLOC_008273	FOXF1	chr16:86544132-86548070	-0.260099	0.999791
XLOC_006225	XLOC_006225	ANKRD10	chr13:111530886-111567416	-0.260014	0.999791
XLOC_014859	XLOC_014859	CYP2D6	chr22:42522500-42526883	-0.259905	0.999791
XLOC_023490	XLOC_023490	PGK1	chrX:77359665-77382324	-0.259479	0.999791
XLOC_020799	XLOC_020799	MTRNR2L6	chr7:142374130-142375525	-0.259258	0.999791
XLOC_021295	XLOC_021295	POT1	chr7:124462439-124570037	-0.259254	0.999791
XLOC_002827	XLOC_002827	C10orf111	chr10:15137383-15146256	-0.259191	1
XLOC_012559	XLOC_012559	ANKAR	chr2:190540710-190611376	-0.258942	1
XLOC_022335	XLOC_022335	CCDC107	chr9:35658286-35665278	-0.258937	0.999791
XLOC_008376	XLOC_008376	HCFC1R1	chr16:3072625-3077756	-0.258793	0.999791
XLOC_018492	XLOC_018492	LAMA2	chr6:129204285-129837710	-0.258632	1
XLOC_000570	XLOC_000570	GSTM4	chr1:110198697-110208123	-0.258523	0.999791
XLOC_002624	XLOC_002624	UBTD1	chr10:99258767-99330960	-0.258501	0.999791
XLOC_010126	XLOC_010126	TUBB6	chr18:12308256-12326568	-0.2583	0.999791
XLOC_021534	XLOC_021534	HMBOX1	chr8:28747910-28910242	-0.258224	0.999791
XLOC_017310	XLOC_017310	SLC22A4	chr5:131630144-131731306	-0.258149	1
XLOC_008751	XLOC_008751	SERPINF2	chr17:1646129-1658559	-0.257955	1
XLOC_018192	XLOC_018192	MICB	chr6:31465854-31478901	-0.257901	0.999791
XLOC_021557	XLOC_021557	PLEKHA2	chr8:38758752-38831430	-0.257652	0.999791
XLOC_018483	XLOC_018483	LOC643623	chr6:125995498-126041364	-0.257614	1
XLOC_000369	XLOC_000369	RAD54L	chr1:46713366-46769038	-0.25761	0.999791
XLOC_007752	XLOC_007752	LOC388152.LOC642423	chr15:84860599-84889820	-0.257474	0.999791
XLOC_021056	XLOC_021056	PKD1L1	chr7:47814249-47988071	-0.257284	1
XLOC_008382	XLOC_008382	TIGD7	chr16:3348807-3368576	-0.257168	1
XLOC_022683	XLOC_022683	UAP1L1	chr9:139971952-139978990	-0.256807	0.999791
XLOC_009995	XLOC_009995	JMJD6	chr17:74708913-74722881	-0.256663	0.999791
XLOC_001400	XLOC_001400	TMEM200B	chr1:29213602-29450421	-0.256662	0.999791
XLOC_012011	XLOC_012011	SLC27A5	chr19:59009699-59023432	-0.256264	0.999791
XLOC_007317	XLOC_007317	ODF3L1	chr15:76016318-76032418	-0.256103	1
XLOC_009616	XLOC_009616	SLC35G3	chr17:33519538-33521412	-0.256024	1
XLOC_024044	XLOC_024044	NKAPP1	chrX:119370308-119379122	-0.255832	1
XLOC_001423	XLOC_001423	FAM229A	chr1:32826870-32827844	-0.255713	0.999791
XLOC_004813	XLOC_004813	SLC48A1	chr12:48166966-48213763	-0.255595	0.999791
XLOC_017801	XLOC_017801	SEPT8	chr5:132083136-132113561	-0.255448	0.999791
XLOC_007775	XLOC_007775	MESP1	chr15:90293097-90294540	-0.255389	0.999791
XLOC_003425	XLOC_003425	DKFZp779M0652	chr11:45792982-45793909	-0.255251	0.999791
XLOC_022927	XLOC_022927	NFIL3	chr9:94171326-94186144	-0.255158	0.999791
XLOC_004924	XLOC_004924	ESYT1	chr12:56521985-56538460	-0.255101	0.999791
XLOC_000629	XLOC_000629	SRGAP2D	chr1:121107151-121129827	-0.255075	1
XLOC_022509	XLOC_022509	SNX30	chr9:115513133-115637267	-0.254986	0.999791
XLOC_022744	XLOC_022744	PTPLAD2	chr9:21006364-21031635	-0.254947	1
XLOC_004609	XLOC_004609	HEPACAM	chr11:124789145-124806308	-0.254936	1
XLOC_018605	XLOC_018605	LINC00574	chr6:170188885-170202969	-0.254765	1
XLOC_020464	XLOC_020464	SPDYE1	chr7:43966034-44058748	-0.254575	1
XLOC_016869	XLOC_016869	SLC39A8	chr4:103172197-103266655	-0.254305	0.999791
XLOC_016908	XLOC_016908	C4orf3	chr4:120217573-120225600	-0.254099	0.999791
XLOC_010843	XLOC_010843	PAK4	chr19:39616419-39670046	-0.253909	0.999791
XLOC_012318	XLOC_012318	ANKRD36	chr2:97779232-97930257	-0.253904	1
XLOC_017694	XLOC_017694	FOXD1	chr5:72742084-72744352	-0.253857	0.999791
XLOC_001882	XLOC_001882	DPM3	chr1:155112366-155112996	-0.253834	0.999791
XLOC_023886	XLOC_023886	WNK3	chrX:54219255-54384438	-0.253801	1
XLOC_005375	XLOC_005375	AMN1	chr12:31824070-31882108	-0.253785	0.999791
XLOC_014734	XLOC_014734	LRP5L	chr22:25747384-25777544	-0.253647	0.999791

XLOC_013127	XLOC_013127	TFCP2L1	chr2:121974163-122042778	-0.253608	0.999791
XLOC_000651	XLOC_000651	BCL9	chr1:147013181-147098015	-0.253409	0.999791
XLOC_002867	XLOC_002867	SVIL	chr10:29746276-30024730	-0.25338	0.999791
XLOC_000615	XLOC_000615	PTGFRN	chr1:117452688-117532972	-0.253107	0.999791
XLOC_013255	XLOC_013255	PDE11A	chr2:178487976-178973066	-0.253071	1
XLOC_009023	XLOC_009023	LASP1	chr17:37026111-37078023	-0.253021	0.999791
XLOC_021524	XLOC_021524	DPYSL2	chr8:26371708-26515693	-0.252997	0.999791
XLOC_022731	XLOC_022731	TTC39B	chr9:15170841-15307358	-0.252824	0.999791
XLOC_021418	XLOC_021418	MNX1	chr7:156797546-156803347	-0.252781	0.999791
XLOC_006812	XLOC_006812	ERO1L	chr14:53108604-53162419	-0.252757	0.999791
XLOC_018102	XLOC_018102	HIST1H4E	chr6:26204872-26205249	-0.252627	0.999791
XLOC_015683	XLOC_015683	CDC25A	chr3:48198667-48229801	-0.252538	0.999791
XLOC_012619	XLOC_012619	PIKFYVE	chr2:209130990-209223475	-0.252406	0.999791
XLOC_001558	XLOC_001558	TMEM48	chr1:54231133-54304225	-0.252202	0.999791
XLOC_002885	XLOC_002885	ZNF248	chr10:38065453-38147012	-0.252059	0.999791
XLOC_017341	XLOC_017341	KIF20A	chr5:137514416-137549032	-0.251973	0.999791
XLOC_014828	XLOC_014828	SUN2	chr22:39130718-39152024	-0.251568	0.999791
XLOC_000088	XLOC_000088	CLCN6	chr1:11845786-11907840	-0.251551	0.999791
XLOC_021215	XLOC_021215	SAP25	chr7:100169852-100171270	-0.251517	0.999791
XLOC_006257	XLOC_006257	ANG_RNASE4	chr14:21152335-21168758	-0.251451	0.999791
XLOC_012515	XLOC_012515	ITGA6	chr2:173292313-173371181	-0.251419	0.999791
XLOC_019160	XLOC_019160	OSTCP1	chr6:159262157-159278664	-0.251373	1
XLOC_020395	XLOC_020395	GNPMB	chr7:23286315-23314729	-0.251194	1
XLOC_012177	XLOC_012177	FOXN2	chr2:48541794-48606434	-0.251055	0.999791
XLOC_010752	XLOC_010752	RGS9BP	chr19:33166312-33169206	-0.25104	1
XLOC_015518	XLOC_015518	CCDC50	chr3:190984943-191116459	-0.250696	0.999791
XLOC_004325	XLOC_004325	KCNK7	chr11:65360325-65363467	-0.249987	0.999791
XLOC_004658	XLOC_004658	PRMT8	chr12:3490514-3703138	-0.249379	0.999791
XLOC_003663	XLOC_003663	CABP4	chr11:67222817-67229245	-0.249344	1
XLOC_004814	XLOC_004814	TMEM106C	chr12:48357329-48362661	-0.249203	0.999791
XLOC_019092	XLOC_019092	SLC2A12	chr6:134308718-134373789	-0.248873	0.999791
XLOC_010049	XLOC_010049	MYADML2	chr17:79897520-79905109	-0.248548	1
XLOC_001186	XLOC_001186	LOC100130417	chr1:852952-854817	-0.248307	1
XLOC_021668	XLOC_021668	NECAB1	chr8:91803920-91997485	-0.248298	1
XLOC_017981	XLOC_017981	FAM193B	chr5:176946789-176981548	-0.248277	0.999791
XLOC_001496	XLOC_001496	CCDC23	chr1:43272722-43310660	-0.248119	0.999791
XLOC_001620	XLOC_001620	TTLL7	chr1:84259597-84464833	-0.247917	1
XLOC_007456	XLOC_007456	HERC2P2	chr15:23282264-23378259	-0.247864	0.999791
XLOC_001877	XLOC_001877	PBXIP1	chr1:154916558-154928567	-0.247748	0.999791
XLOC_017245	XLOC_017245	ERAP2	chr5:96211643-96255406	-0.247642	0.999791
XLOC_009810	XLOC_009810	CBX1	chr17:46147413-46178883	-0.247614	0.999791
XLOC_015941	XLOC_015941	H1FX	chr3:129033613-129043412	-0.247566	0.999791
XLOC_017636	XLOC_017636	ANXA2R	chr5:43039181-43040447	-0.247566	0.999791
XLOC_003553	XLOC_003553	INCENP	chr11:61891444-61920635	-0.247392	0.999791
XLOC_006853	XLOC_006853	ZBTB25	chr14:64953554-64970554	-0.24729	0.999791
XLOC_023661	XLOC_023661	CXorf40A	chrX:148622518-148632086	-0.246691	0.999791
XLOC_006170	XLOC_006170	SPRY2	chr13:80910111-80915086	-0.246639	0.999791
XLOC_009040	XLOC_009040	CSF3	chr17:38171613-38174066	-0.246638	1
XLOC_014565	XLOC_014565	POBEC3F	chr22:39436672-39451975	-0.246616	0.999791
XLOC_008457	XLOC_008457	DCUN1D3	chr16:20869395-20936328	-0.246175	0.999791
XLOC_024188	XLOC_024188	MECP2	chrX:153287263-153363188	-0.245909	0.999791
XLOC_007291	XLOC_007291	NEO1	chr15:73344824-73597547	-0.245839	0.999791
XLOC_005764	XLOC_005764	HCAR1	chr12:123212152-123215129	-0.245834	1
XLOC_000064	XLOC_000064	SLC45A1	chr1:8384389-8404227	-0.245681	0.999791
XLOC_016831	XLOC_016831	WDFY3	chr4:85590692-85887544	-0.245426	0.999791
XLOC_012789	XLOC_012789	PDIA6	chr2:10861774-10952960	-0.245365	0.999791
XLOC_008721	XLOC_008721	MVD	chr16:88718347-88729495	-0.245145	0.999791
XLOC_016889	XLOC_016889	CASP6	chr4:110609784-110624629	-0.245075	0.999791
XLOC_002606	XLOC_002606	TBC1D12	chr10:96162185-96296089	-0.245073	0.999791
XLOC_010966	XLOC_010966	CCDC9	chr19:47759730-47775210	-0.244977	0.999791
XLOC_005706	XLOC_005706	TMEM116	chr12:112369086-112451023	-0.244554	0.999791
XLOC_017685	XLOC_017685	GUSBP3	chr5:68935289-69006272	-0.244445	1
XLOC_020368	XLOC_020368	C1GALT1	chr7:7222245-7288280	-0.244426	0.999791
XLOC_011432	XLOC_011432	RAB3D	chr19:11406823-11450344	-0.244288	0.999791
XLOC_022178	XLOC_022178	LOC100507117	chr8:131064350-131455906	-0.244268	1
XLOC_004837	XLOC_004837	AQP6	chr12:50366619-50370922	-0.24425	1
XLOC_010639	XLOC_010639	TECR	chr19:14640354-14676792	-0.244203	0.999791
XLOC_003585	XLOC_003585	VEGFB	chr11:64002055-64006736	-0.243954	0.999791
XLOC_018165	XLOC_018165	PPP1R11	chr6:30034931-30043628	-0.243897	0.999791
XLOC_005990	XLOC_005990	ING1	chr13:111364969-111373421	-0.243891	0.999791
XLOC_007691	XLOC_007691	SCAMP2	chr15:75137196-75165670	-0.243862	0.999791
XLOC_015594	XLOC_015594	COLQ	chr3:15491639-15563258	-0.243793	0.999791
XLOC_020766	XLOC_020766	BPGM	chr7:134331530-134364567	-0.243751	0.999791
XLOC_004731	XLOC_004731	ETV6	chr12:11802787-12079107	-0.243674	0.999791
XLOC_000174	XLOC_000174	C1orf213	chr1:23685940-23698330	-0.243645	0.999791
XLOC_018400	XLOC_018400	ZNF292	chr6:87865268-87973406	-0.243628	0.999791
XLOC_016870	XLOC_016870	MANBA	chr4:103552642-103682151	-0.243524	0.999791
XLOC_014459	XLOC_014459	MIF	chr22:24235896-24241117	-0.243393	0.999791
XLOC_021145	XLOC_021145	KIAA1324L	chr7:86506222-86689014	-0.243377	1

XLOC_012301	XLOC_012301	TEKT4	chr2:95534429-95613087	-0.243224	0.999791
XLOC_017798	XLOC_017798	IRF1	chr5:131817300-131826465	-0.243183	0.999791
XLOC_018538	XLOC_018538	UTRN	chr6:144612872-145174170	-0.243131	0.999791
XLOC_007507	XLOC_007507	BMF	chr15:40380090-40401085	-0.242933	0.999791
XLOC_004519	XLOC_004519	C11orf92	chr11:111164113-111179460	-0.242611	1
XLOC_004036	XLOC_004036	RRP8	chr11:6621143-6624880	-0.242395	0.999791
XLOC_018761	XLOC_018761	BAG6	chr6:31606804-31625987	-0.242317	0.999791
XLOC_023770	XLOC_023770	INE2	chrX:15756411-15805748	-0.242294	0.999791
XLOC_011290	XLOC_011290	MOB3A	chr19:2071034-2096269	-0.242272	0.999791
XLOC_023811	XLOC_023811	SRPX	chrX:38008587-38080177	-0.241914	0.999791
XLOC_022624	XLOC_022624	NTNG2	chr9:135037333-135118220	-0.241795	0.999791
XLOC_021676	XLOC_021676	PDP1	chr8:94929082-94938296	-0.241766	0.999791
XLOC_008737	XLOC_008737	DBNDD1	chr16:90071278-90085937	-0.241614	0.999791
XLOC_008909	XLOC_008909	MAPK7	chr17:19240866-19290532	-0.2413	0.999791
XLOC_016894	XLOC_016894	TIFA	chr4:113196781-113207059	-0.24093	0.999791
XLOC_016826	XLOC_016826	COQ2	chr4:84184976-84206067	-0.240734	0.999791
XLOC_015818	XLOC_015818	RYBP	chr3:72423743-72495774	-0.240444	0.999791
XLOC_014933	XLOC_014933	BRPF1	chr3:9773433-9789699	-0.240181	0.999791
XLOC_012966	XLOC_012966	TGFA	chr2:70674411-70781147	-0.239158	0.999791
XLOC_012055	XLOC_012055	GREB1	chr2:11674241-11782912	-0.239133	1
XLOC_005413	XLOC_005413	ZNF641	chr12:48733792-48745029	-0.239118	0.999791
XLOC_015410	XLOC_015410	ARHGEF26	chr3:153742189-153975616	-0.23901	1
XLOC_018762	XLOC_018762	C6orf47	chr6:31626074-31628549	-0.238981	0.999791
XLOC_017033	XLOC_017033	CCDC110	chr4:186350544-186392913	-0.238861	1
XLOC_013052	XLOC_013052	ANKRD23	chr2:97503650-97509758	-0.238785	0.999791
XLOC_018590	XLOC_018590	MAP3K4	chr6:161412821-161538417	-0.238743	0.999791
XLOC_014551	XLOC_014551	GALR3	chr22:38219388-38221502	-0.238691	0.999791
XLOC_017487	XLOC_017487	CREBRF	chr5:172483354-172566291	-0.238388	0.999791
XLOC_008279	XLOC_008279	BANP	chr16:87985037-88110924	-0.238153	0.999791
XLOC_011683	XLOC_011683	BLVRB	chr19:40953690-40971725	-0.238128	0.999791
XLOC_015738	XLOC_015738	CACNA2D2	chr3:50400230-50540892	-0.238128	1
XLOC_011788	XLOC_011788	AP2S1	chr19:47341422-47354203	-0.237832	0.999791
XLOC_014504	XLOC_014504	MTFP1	chr22:30821610-30825041	-0.237823	0.999791
XLOC_000043	XLOC_000043	TP73	chr1:3569128-3663937	-0.237812	0.999791
XLOC_018496	XLOC_018496	AKAP7	chr6:131456825-131604675	-0.237719	0.999791
XLOC_002600	XLOC_002600	CEP55	chr10:95256368-95288849	-0.237334	0.999791
XLOC_020708	XLOC_020708	MET	chr7:116312458-116438440	-0.237247	0.999791
XLOC_002676	XLOC_002676	TAF5	chr10:105127723-105156270	-0.237075	0.999791
XLOC_006156	XLOC_006156	KLF12	chr13:74260148-74708066	-0.236973	0.999791
XLOC_017370	XLOC_017370	PCDHB3	chr5:140480233-140483406	-0.23693	1
XLOC_010546	XLOC_010546	MAP2K7	chr19:7968764-7979363	-0.236877	0.999791
XLOC_008125	XLOC_008125	MT1B	chr16:56685810-56687116	-0.236757	1
XLOC_003643	XLOC_003643	PEL13	chr11:66233797-66244808	-0.236015	0.999791
XLOC_003599	XLOC_003599	PPP2R5B	chr11:64692142-64703360	-0.235929	0.999791
XLOC_003578	XLOC_003578	COX8A	chr11:63742078-63744015	-0.235866	0.999791
XLOC_022673	XLOC_022673	PHPT1	chr9:139743255-139745490	-0.235788	0.999791
XLOC_023922	XLOC_023922	BCYRN1	chrX:70430034-70948962	-0.235715	0.999791
XLOC_012551	XLOC_012551	ITGAV	chr2:187454789-187545628	-0.235418	0.999791
XLOC_021578	XLOC_021578	SGK196	chr8:42948656-42978323	-0.235311	0.999791
XLOC_013377	XLOC_013377	TUBA4A	chr2:220110191-220136910	-0.235236	0.999791
XLOC_000158	XLOC_000158	NBPF3	chr1:21766620-21811393	-0.235155	0.999791
XLOC_018109	XLOC_018109	BTN2A2	chr6:26383323-26395100	-0.235095	0.999791
XLOC_004626	XLOC_004626	ARHGAP32	chr11:128834954-129062093	-0.23503	0.999791
XLOC_013529	XLOC_013529	SLX4IP	chr20:10415950-10604027	-0.234979	1
XLOC_018168	XLOC_018168	HLA-L	chr6:30201815-30314635	-0.23496	1
XLOC_004300	XLOC_004300	BAD	chr11:64037299-64056972	-0.234936	0.999791
XLOC_009608	XLOC_009608	MYO1D	chr17:30819627-31203902	-0.23493	0.999791
XLOC_016711	XLOC_016711	RFC1	chr4:39289068-39368001	-0.234919	0.999791
XLOC_018901	XLOC_018901	ENPP5	chr6:46127761-46138717	-0.234793	0.999791
XLOC_014887	XLOC_014887	LOC100271722	chr22:46435786-46440748	-0.234782	0.999791
XLOC_001534	XLOC_001534	FOXD2-AS1	chr1:47897806-47900313	-0.234571	0.999791
XLOC_000382	XLOC_000382	LINC00853	chr1:47644921-47646011	-0.234493	0.999791
XLOC_002109	XLOC_002109	CSRP1	chr1:201452657-201476387	-0.234438	0.999791
XLOC_006312	XLOC_006312	SCFD1	chr14:31091459-31205033	-0.234254	0.999791
XLOC_014841	XLOC_014841	MKL1	chr22:40766594-41032690	-0.233752	0.999791
XLOC_004093	XLOC_004093	KCNJ11	chr11:17406795-17410878	-0.233554	0.999791
XLOC_006344	XLOC_006344	KLHDC2	chr14:50234786-50249856	-0.233473	0.999791
XLOC_023093	XLOC_023093	NAIF1	chr9:130823511-130829599	-0.233405	0.999791
XLOC_001911	XLOC_001911	MEF2D	chr1:156433512-156470634	-0.23329	0.999791
XLOC_021069	XLOC_021069	FKBP9L	chr7:55748766-55772260	-0.233074	0.999791
XLOC_009105	XLOC_009105	GRN	chr17:42422490-42430470	-0.233015	0.999791
XLOC_013035	XLOC_013035	EIF2AK3	chr2:88856258-88927094	-0.232993	0.999791
XLOC_018962	XLOC_018962	COX7A2	chr6:75947390-75953644	-0.232802	0.999791
XLOC_003492	XLOC_003492	SMTNL1	chr11:57310113-57317747	-0.232711	1
XLOC_003745	XLOC_003745	PRSS23	chr11:86511490-86522273	-0.232556	0.999791
XLOC_014898	XLOC_014898	ALG12	chr22:50296853-50312106	-0.232456	0.999791
XLOC_022089	XLOC_022089	TRIQK	chr8:93895757-93978372	-0.232228	0.999791
XLOC_018783	XLOC_018783	TNXB	chr6:32006092-32077151	-0.232109	1
XLOC_000373	XLOC_000373	LOC729041	chr1:46899498-46911374	-0.232023	0.999791

XLOC_013851	XLOC_013851	LRRN4	chr20:6021191-6034726	-0.231994	0.999791
XLOC_008090	XLOC_008090	PHKB	chr16:47495209-47735434	-0.231877	0.999791
XLOC_001047	XLOC_001047	PROX1	chr1:214161277-214214847	-0.231815	1
XLOC_011522	XLOC_011522	BST2	chr19:17513754-17516384	-0.231696	0.999791
XLOC_022862	XLOC_022862	PGM5P2	chr9:69080243-69147854	-0.231655	1
XLOC_009107	XLOC_009107	C17orf104	chr17:42733761-42753165	-0.231419	1
XLOC_001140	XLOC_001140	COX20	chr1:244998638-245010243	-0.231356	0.999791
XLOC_014722	XLOC_014722	DDT	chr22:24309025-24322019	-0.231175	0.999791
XLOC_009164	XLOC_009164	EME1	chr17:48450580-48474914	-0.231102	0.999791
XLOC_013907	XLOC_013907	LOC284801	chr20:26167654-26189869	-0.231006	1
XLOC_002419	XLOC_002419	ZNF487P	chr10:43932573-43978007	-0.230951	1
XLOC_000486	XLOC_000486	CYR61	chr1:86046443-86049648	-0.230635	0.999791
XLOC_012092	XLOC_012092	AGBL5	chr2:27274490-27294567	-0.230634	0.999791
XLOC_007374	XLOC_007374	ZSCAN2	chr15:85144248-85166947	-0.23057	0.999791
XLOC_014968	XLOC_014968	CAPN7	chr3:15247732-15294423	-0.230463	0.999791
XLOC_022822	XLOC_022822	GBA2	chr9:35697333-35749225	-0.230446	0.999791
XLOC_010522	XLOC_010522	ALKBH7	chr19:6372443-6375261	-0.230385	0.999791
XLOC_014068	XLOC_014068	LINC00659	chr20:61405472-61408208	-0.230218	0.999791
XLOC_000346	XLOC_000346	DMAP1	chr1:44679124-44686351	-0.230004	0.999791
XLOC_015695	XLOC_015695	CELSR3	chr3:48673895-48700348	-0.229812	0.999791
XLOC_015691	XLOC_015691	COL7A1	chr3:48601505-48632593	-0.22973	0.999791
XLOC_008247	XLOC_008247	GAN	chr16:81348570-81413803	-0.22949	1
XLOC_022821	XLOC_022821	TLN1	chr9:35697333-35749225	-0.229255	0.999791
XLOC_011222	XLOC_011222	ZNF548	chr19:57901217-57913919	-0.229252	0.999791
XLOC_015423	XLOC_015423	IQCJ,IQCJ-SCHIP1,SCHIP1	chr3:158787040-159615155	-0.229192	0.999791
XLOC_016890	XLOC_016890	PLA2G12A	chr4:110631144-110651242	-0.229169	0.999791
XLOC_021527	XLOC_021527	SCARA3	chr8:27491576-27534286	-0.228925	0.999791
XLOC_011817	XLOC_011817	FUT1	chr19:49251267-49258647	-0.228799	0.999791
XLOC_006447	XLOC_006447	ISCA2	chr14:74960422-74962271	-0.22873	0.999791
XLOC_003248	XLOC_003248	TNNI2	chr11:1860232-1862910	-0.228655	1
XLOC_016501	XLOC_016501	PLK4	chr4:128802015-128820377	-0.22863	0.999791
XLOC_015892	XLOC_015892	GPR156	chr3:119884327-119963142	-0.228358	1
XLOC_010580	XLOC_010580	SLC44A2	chr19:10713120-10755235	-0.228192	0.999791
XLOC_009946	XLOC_009946	CDC42EP4	chr17:71279762-71308143	-0.228165	0.999791
XLOC_018744	XLOC_018744	MDC1	chr6:30667583-30685458	-0.227866	0.999791
XLOC_020984	XLOC_020984	HOXA13	chr7:27236498-27239725	-0.227866	0.999791
XLOC_002160	XLOC_002160	YOD1	chr1:207217193-207226325	-0.227827	0.999791
XLOC_008633	XLOC_008633	PSMB10	chr16:67968406-67970780	-0.227695	0.999791
XLOC_014921	XLOC_014921	ITPR1	chr3:4535031-4889524	-0.227434	0.999791
XLOC_012313	XLOC_012313	ARID5A	chr2:972002463-97218371	-0.227431	0.999791
XLOC_013244	XLOC_013244	KIAA1715	chr2:176790409-176867018	-0.227305	0.999791
XLOC_013786	XLOC_013786	LIME1	chr20:62367977-62370460	-0.227287	0.999791
XLOC_010607	XLOC_010607	ZNF844	chr19:12175545-12188626	-0.227196	0.999791
XLOC_021523	XLOC_021523	BNIP3L	chr8:26240522-26270644	-0.227155	0.999791
XLOC_007404	XLOC_007404	CRTC3	chr15:91073117-91188577	-0.226953	0.999791
XLOC_005656	XLOC_005656	PMCH	chr12:102513955-102591614	-0.226914	0.999791
XLOC_004326	XLOC_004326	MAP3K11	chr11:65365225-65381720	-0.22681	0.999791
XLOC_004793	XLOC_004793	FLJ13224	chr12:31433519-31479159	-0.22677	1
XLOC_007640	XLOC_007640	DPP8	chr15:65737997-65810035	-0.226708	0.999791
XLOC_015601	XLOC_015601	TBC1D5	chr3:17198653-17784240	-0.226629	0.999791
XLOC_018275	XLOC_018275	TBC1D22B	chr6:37179953-37300746	-0.226385	0.999791
XLOC_009202	XLOC_009202	YPEL2	chr17:57409052-57479095	-0.226376	0.999791
XLOC_005591	XLOC_005591	CAPS2	chr12:75669758-75723836	-0.226231	1
XLOC_009743	XLOC_009743	GHDC	chr17:40341104-40346550	-0.226073	0.999791
XLOC_004685	XLOC_004685	TP11	chr12:6976583-6982521	-0.225946	0.999791
XLOC_005527	XLOC_005527	GLS2	chr12:56862300-56882181	-0.225764	0.999791
XLOC_005063	XLOC_005063	HSP90B1	chr12:104324111-104341708	-0.225732	0.999791
XLOC_018895	XLOC_018895	NFKBIE	chr6:44225902-44233525	-0.225562	0.999791
XLOC_000227	XLOC_000227	XKR8	chr1:28286503-28294604	-0.225551	0.999791
XLOC_021771	XLOC_021771	THEM6	chr8:143808620-143818350	-0.225496	0.999791
XLOC_013959	XLOC_013959	BLCAP	chr20:36145818-36156333	-0.225354	0.999791
XLOC_011423	XLOC_011423	CDKN2D	chr19:10677137-10679655	-0.225129	0.999791
XLOC_002252	XLOC_002252	IRF2BP2	chr1:234740014-234745271	-0.225037	0.999791
XLOC_011012	XLOC_011012	SNRNP70	chr19:49588464-49611870	-0.224864	0.999791
XLOC_002339	XLOC_002339	TAF3	chr10:7860466-8057016	-0.2246	0.999791
XLOC_001219	XLOC_001219	PANK4	chr1:2439974-2458035	-0.224405	0.999791
XLOC_015509	XLOC_015509	LPP	chr3:187868993-188608460	-0.224382	0.999791
XLOC_002001	XLOC_002001	MPC2	chr1:167885912-168045083	-0.224375	0.999791
XLOC_004743	XLOC_004743	LOC100506314	chr12:13127798-13153243	-0.224227	0.999791
XLOC_014851	XLOC_014851	PMM1	chr22:41972889-41985871	-0.224164	0.999791
XLOC_017205	XLOC_017205	PDE8B	chr5:76506705-76724080	-0.224141	1
XLOC_005085	XLOC_005085	USP30	chr12:109489845-109525831	-0.224059	0.999791
XLOC_009221	XLOC_009221	TANC2	chr17:60778674-61505067	-0.224044	0.999791
XLOC_018326	XLOC_018326	TMEM151B	chr6:44238479-44247182	-0.223675	1
XLOC_002701	XLOC_002701	CASP7	chr10:115438920-115490668	-0.2236	0.999791
XLOC_014146	XLOC_014146	IL10RB	chr21:34638664-34669539	-0.22352	0.999791
XLOC_004615	XLOC_004615	CDON	chr11:125826712-125933187	-0.223519	1
XLOC_010180	XLOC_010180	KIAA1328	chr18:33877701-34805288	-0.223496	0.999791
XLOC_006771	XLOC_006771	MBIP	chr14:36767763-36789882	-0.22344	0.999791

XLOC_018609	XLOC_018609	EXOC2	chr6:485137-693141	-0.22337	0.999791
XLOC_014800	XLOC_014800	IFT27	chr22:37154245-37172177	-0.223237	0.999791
XLOC_004956	XLOC_004956	XRCC6BP1	chr12:58335444-58351052	-0.222906	0.999791
XLOC_018189	XLOC_018189	MICA	chr6:31367560-31383090	-0.222848	0.999791
XLOC_005881	XLOC_005881	TPT1-AS1	chr13:45915479-45965618	-0.22267	0.999791
XLOC_018209	XLOC_018209	HSPA1B	chr6:31795511-31798031	-0.222642	0.999791
XLOC_003561	XLOC_003561	METTL12	chr11:62430288-62441162	-0.222446	0.999791
XLOC_009666	XLOC_009666	MIEN1	chr17:37885408-37886788	-0.222171	0.999791
XLOC_017989	XLOC_017989	CLK4	chr5:178029664-178054054	-0.222163	0.999791
XLOC_010765	XLOC_010765	GPI	chr19:34855644-34893318	-0.222161	0.999791
XLOC_003391	XLOC_003391	LINC00294	chr11:33097695-33101000	-0.222151	0.999791
XLOC_000620	XLOC_000620	FAM46C	chr11:118148603-118171011	-0.222111	1
XLOC_016446	XLOC_016446	FLJ20021	chr4:102268933-102270040	-0.222104	0.999791
XLOC_022900	XLOC_022900	GKAP1	chr9:86354335-86432752	-0.2219	0.999791
XLOC_013719	XLOC_013719	PARDB6B	chr20:49348080-49370278	-0.221859	0.999791
XLOC_005553	XLOC_005553	AVIL	chr12:58176527-58209852	-0.221776	1
XLOC_011630	XLOC_011630	ZNF585A	chr19:37641000-37663615	-0.221734	0.999791
XLOC_014082	XLOC_014082	GMEB2	chr20:62218954-62258381	-0.221685	0.999791
XLOC_003736	XLOC_003736	LOC100506233	chr11:82783107-82784754	-0.221405	0.999791
XLOC_010318	XLOC_010318	DSC3	chr18:28570051-28622781	-0.221295	1
XLOC_020706	XLOC_020706	CAV2	chr7:116139654-116148595	-0.221292	0.999791
XLOC_015396	XLOC_015396	TSC22D2	chr3:150126787-150177615	-0.221109	0.999791
XLOC_018531	XLOC_018531	GPR126	chr6:142623055-142767403	-0.220989	0.999791
XLOC_021399	XLOC_021399	TMUB1	chr7:150778171-150780620	-0.220983	0.999791
XLOC_001966	XLOC_001966	F11R	chr11:160965000-160991133	-0.220918	0.999791
XLOC_020571	XLOC_020571	DTX2	chr7:76090971-76135312	-0.220876	0.999791
XLOC_017431	XLOC_017431	GM2A	chr5:150632612-150649953	-0.220734	0.999791
XLOC_005087	XLOC_005087	ACACB	chr12:109577201-109706030	-0.220733	0.999791
XLOC_016450	XLOC_016450	TET2	chr4:106067031-106200960	-0.22055	0.999791
XLOC_015109	XLOC_015109	FAM212A	chr3:49840686-49842463	-0.220499	0.999791
XLOC_007015	XLOC_007015	GOLGA8S	chr15:23599894-23613471	-0.220268	1
XLOC_014710	XLOC_014710	RTDR1	chr22:23401592-23484241	-0.220073	1
XLOC_017962	XLOC_017962	KIAA1191	chr5:175773065-175788809	-0.220036	0.999791
XLOC_006436	XLOC_006436	ACOT4	chr14:74058409-74062470	-0.219968	1
XLOC_022051	XLOC_022051	PEX2	chr8:77892493-77913280	-0.219926	0.999791
XLOC_012960	XLOC_012960	ASPRV1	chr2:70187223-70314147	-0.219885	0.999791
XLOC_021763	XLOC_021763	DENND3	chr8:142138719-142205900	-0.219818	0.999791
XLOC_009457	XLOC_009457	CLDN7	chr17:7155371-7166512	-0.21973	1
XLOC_010590	XLOC_010590	LDLR	chr19:11200037-11244505	-0.219717	0.999791
XLOC_012260	XLOC_012260	HK2	chr2:75059781-75120481	-0.219562	0.999791
XLOC_012659	XLOC_012659	ANKZF1	chr2:220094478-220101391	-0.219494	0.999791
XLOC_011653	XLOC_011653	SIRT2	chr19:39369194-39399534	-0.219187	0.999791
XLOC_011557	XLOC_011557	LINC00663	chr19:19867180-19887222	-0.218902	0.999791
XLOC_005719	XLOC_005719	MED13L	chr12:116396380-116714991	-0.218889	0.999791
XLOC_001090	XLOC_001090	GJC2	chr1:228337414-228347527	-0.218813	1
XLOC_007754	XLOC_007754	UBE2Q2P1	chr15:85070426-85123412	-0.218731	1
XLOC_004431	XLOC_004431	GAB2	chr11:77926335-78128868	-0.218721	0.999791
XLOC_006889	XLOC_006889	ALDH6A1	chr14:74486058-74551196	-0.218566	0.999791
XLOC_004040	XLOC_004040	MRPL17	chr11:6701615-6704632	-0.218536	0.999791
XLOC_010444	XLOC_010444	HMHA1	chr19:1065921-1095391	-0.218487	0.999791
XLOC_022490	XLOC_022490	NIPSNAP3B	chr9:107526450-107536291	-0.218358	0.999791
XLOC_018186	XLOC_018186	PSORS1C1	chr6:31082607-31107869	-0.21834	0.999791
XLOC_023722	XLOC_023722	FUNDC2	chrX:154255063-154285191	-0.218251	0.999791
XLOC_021068	XLOC_021068	VOPP1	chr7:55538305-55640200	-0.21808	0.999791
XLOC_001250	XLOC_001250	ENO1	chr1:8921058-8939943	-0.218062	0.999791
XLOC_007565	XLOC_007565	CEP152	chr15:49030134-49103343	-0.218041	0.999791
XLOC_009420	XLOC_009420	CHRNE	chr17:4736634-4806369	-0.218002	0.999791
XLOC_017139	XLOC_017139	MAP3K1	chr5:56110899-56191978	-0.217984	0.999791
XLOC_018242	XLOC_018242	KIFC1	chr6:33359312-33377699	-0.217957	0.999791
XLOC_024025	XLOC_024025	AMOT	chrX:112018104-112084043	-0.217908	1
XLOC_014296	XLOC_014296	SNORA80	chr21:33664123-33765312	-0.217893	0.999791
XLOC_018960	XLOC_018960	SLC17A5	chr6:74303101-74363737	-0.217824	0.999791
XLOC_005155	XLOC_005155	MLXIP	chr12:122516651-122628967	-0.217815	0.999791
XLOC_013374	XLOC_013374	ABCB6	chr2:220074487-220083712	-0.217689	0.999791
XLOC_011352	XLOC_011352	PSPN	chr19:6375304-6375860	-0.217535	0.999791
XLOC_018828	XLOC_018828	TAF11	chr6:34845554-34855848	-0.217445	0.999791
XLOC_011372	XLOC_011372	PCP2	chr19:7694670-7698634	-0.217382	0.999791
XLOC_010113	XLOC_010113	ANKRD12	chr18:9136750-9285983	-0.217351	0.999791
XLOC_014422	XLOC_014422	MED15	chr22:20861885-20941919	-0.217342	0.999791
XLOC_010387	XLOC_010387	LMAN1	chr18:56995055-57026508	-0.217141	0.999791
XLOC_009570	XLOC_009570	UNC119	chr17:26873724-26879646	-0.217037	0.999791
XLOC_018085	XLOC_018085	GMNN	chr6:24775158-24786325	-0.21696	0.999791
XLOC_012404	XLOC_012404	DBI	chr2:120124503-120130122	-0.216729	0.999791
XLOC_003955	XLOC_003955	MUC6	chr11:1012823-1036706	-0.216197	1
XLOC_006336	XLOC_006336	C14orf28	chr14:45366506-45376460	-0.216168	0.999791
XLOC_018452	XLOC_018452	FAM229B	chr6:112391859-112423993	-0.216138	0.999791
XLOC_012078	XLOC_012078	DNAJC27-AS1	chr2:25194980-25262563	-0.216098	1
XLOC_013811	XLOC_013811	TMEM74B	chr20:1161214-1165117	-0.215887	0.999791
XLOC_014690	XLOC_014690	PI4KAP1	chr22:20383730-20398695	-0.215836	0.999791

XLOC_020880	XLOC_020880	RBM33	chr7:155437202-155574179	-0.215812	0.999791
XLOC_001065	XLOC_001065	BROX	chr1:222885905-222906106	-0.215621	0.999791
XLOC_022773	XLOC_022773	MOB3B	chr9:27325206-27529850	-0.215615	0.999791
XLOC_004010	XLOC_004010	HBG1	chr11:5269501-5271087	-0.215495	1
XLOC_013099	XLOC_013099	LOC151009.LOC440894	chr2:111132685-111142113	-0.215495	0.999791
XLOC_002947	XLOC_002947	IPMK	chr10:59951277-60027694	-0.215424	0.999791
XLOC_021150	XLOC_021150	SLC25A40	chr7:87463813-87538856	-0.2154	0.999791
XLOC_022276	XLOC_022276	KIAA1432	chr9:5629118-5776556	-0.215303	0.999791
XLOC_017238	XLOC_017238	ARSK	chr5:94890824-94940806	-0.215193	0.999791
XLOC_015521	XLOC_015521	MGC2889	chr3:192958916-192988644	-0.215155	1
XLOC_005819	XLOC_005819	PABPC3	chr13:25670275-25672704	-0.215142	1
XLOC_018581	XLOC_018581	ACAT2	chr6:160181290-160210735	-0.215122	0.999791
XLOC_001894	XLOC_001894	YY1AP1	chr1:155629232-155658823	-0.214967	0.999791
XLOC_015848	XLOC_015848	SENP7	chr3:101043117-101232085	-0.214917	0.999791
XLOC_000573	XLOC_000573	GSTM5	chr1:110254863-110260890	-0.214652	1
XLOC_007206	XLOC_007206	NDUFAF4P1	chr15:49447975-49913118	-0.214578	1
XLOC_016189	XLOC_016189	DOK7	chr4:3465032-3496209	-0.214488	1
XLOC_022830	XLOC_022830	RNF38	chr9:36336398-36401195	-0.214454	0.999791
XLOC_001802	XLOC_001802	GOLPH3L	chr1:150618700-150669672	-0.214426	0.999791
XLOC_010524	XLOC_010524	TNFSF9	chr19:6531009-6535939	-0.21436	0.999791
XLOC_016903	XLOC_016903	AR5J	chr4:114821439-114900878	-0.214296	0.999791
XLOC_020406	XLOC_020406	LOC441204	chr7:26443107-26535986	-0.214279	1
XLOC_008509	XLOC_008509	MAPK3	chr16:30125425-30134630	-0.214268	0.999791
XLOC_002335	XLOC_002335	PRKCQ-AS1	chr10:6622386-6627323	-0.214212	0.999791
XLOC_002510	XLOC_002510	DDIT4	chr10:74033676-74035797	-0.213982	0.999791
XLOC_009987	XLOC_009987	QRICH2	chr17:74270129-74303761	-0.2138	0.999791
XLOC_005073	XLOC_005073	TCP11L2	chr12:106696580-106740792	-0.213756	0.999791
XLOC_014674	XLOC_014674	SLC25A1	chr22:19163087-19166338	-0.21367	0.999791
XLOC_010605	XLOC_010605	ZNF700	chr19:12035882-12061588	-0.213642	0.999791
XLOC_021305	XLOC_021305	IMPDH1	chr7:128032330-128050036	-0.213512	0.999791
XLOC_017318	XLOC_017318	UQCRCQ	chr5:132202318-132204536	-0.21331	0.999791
XLOC_014460	XLOC_014460	DDTL	chr22:24309025-24322019	-0.213252	0.999791
XLOC_022403	XLOC_022403	CEP78	chr9:80850990-80881983	-0.212934	0.999791
XLOC_008231	XLOC_008231	ZNRF1	chr16:75032914-75144892	-0.212892	0.999791
XLOC_011283	XLOC_011283	ATP8B3	chr19:1782073-1812275	-0.21285	0.999791
XLOC_011218	XLOC_011218	ZNF460	chr19:57791852-57805436	-0.212821	0.999791
XLOC_012040	XLOC_012040	ID2	chr2:8822112-8824583	-0.212748	0.999791
XLOC_000659	XLOC_000659	LOC388692	chr1:149279475-149291742	-0.212605	0.999791
XLOC_018560	XLOC_018560	CCDC170	chr6:151815174-151942328	-0.212552	1
XLOC_005546	XLOC_005546	DDIT3	chr12:57881735-57914300	-0.212481	0.999791
XLOC_010796	XLOC_010796	ZBTB32	chr19:36203829-36207940	-0.212475	1
XLOC_018187	XLOC_018187	TCF19	chr6:31126302-31131992	-0.212382	0.999791
XLOC_003664	XLOC_003664	AIP	chr11:67250504-67258579	-0.212269	0.999791
XLOC_022086	XLOC_022086	TMEM55A	chr8:92006501-92053203	-0.212114	0.999791
XLOC_015115	XLOC_015115	GNAI2	chr3:50273646-50296786	-0.21207	0.999791
XLOC_002810	XLOC_002810	SFTA1P	chr10:10826401-10836877	-0.211941	0.999791
XLOC_008893	XLOC_008893	ALKBH5	chr17:18086866-18113267	-0.211909	0.999791
XLOC_000658	XLOC_000658	LOC645166	chr1:148928285-148953054	-0.211871	0.999791
XLOC_007593	XLOC_007593	RAB27A	chr15:55495163-55582013	-0.211805	0.999791
XLOC_022302	XLOC_022302	CDKN2B-AS1	chr9:21994789-22121093	-0.211745	1
XLOC_006465	XLOC_006465	TMEM63C	chr14:77648101-77725838	-0.211735	0.999791
XLOC_003747	XLOC_003747	TMEM135	chr11:86748885-87039876	-0.211719	0.999791
XLOC_022566	XLOC_022566	ZBTB34	chr9:129622943-129648156	-0.21149	0.999791
XLOC_015360	XLOC_015360	CLDN18	chr3:137717657-137752494	-0.211419	1
XLOC_010507	XLOC_010507	FEM1A	chr19:4791727-4795571	-0.211215	0.999791
XLOC_016879	XLOC_016879	INTS12	chr4:106603784-106629881	-0.211114	0.999791
XLOC_015614	XLOC_015614	NGLY1	chr3:25760434-25831530	-0.211022	0.999791
XLOC_001560	XLOC_001560	HSPB11	chr1:54387233-54411288	-0.210955	0.999791
XLOC_000212	XLOC_000212	ZDHHC18	chr1:27153200-27182211	-0.210938	0.999791
XLOC_017461	XLOC_017461	CCNG1	chr5:162864576-162872022	-0.210842	0.999791
XLOC_001665	XLOC_001665	ALG14	chr1:95448278-95538507	-0.210754	0.999791
XLOC_003192	XLOC_003192	MKI67	chr10:129894924-129924468	-0.210627	0.999791
XLOC_001383	XLOC_001383	MAP3K6	chr1:27681669-27693337	-0.210318	0.999791
XLOC_000433	XLOC_000433	PGM1	chr1:64058946-64125916	-0.210247	0.999791
XLOC_006375	XLOC_006375	ARID4A	chr14:58765221-58840451	-0.209746	0.999791
XLOC_022818	XLOC_022818	RMRP	chr9:35657747-35658015	-0.209635	0.999791
XLOC_023827	XLOC_023827	ZNF674	chrX:46357159-46404892	-0.209622	0.999791
XLOC_010301	XLOC_010301	ROCK1	chr18:18529702-18691812	-0.209413	0.999791
XLOC_016839	XLOC_016839	HSD17B11	chr4:88257690-88312455	-0.209233	0.999791
XLOC_012455	XLOC_012455	SPOPL	chr2:139259349-139330805	-0.209025	0.999791
XLOC_004274	XLOC_004274	STX5	chr11:62574331-62599563	-0.208923	0.999791
XLOC_021249	XLOC_021249	LOC100216545	chr7:104650988-104654588	-0.208915	0.999791
XLOC_004953	XLOC_004953	MARCH9	chr12:58148880-58154193	-0.208909	0.999791
XLOC_008819	XLOC_008819	CHRN1	chr17:7348405-7360932	-0.208896	0.999791
XLOC_018200	XLOC_018200	SNORA38	chr6:31588449-31605554	-0.208889	0.999791
XLOC_008655	XLOC_008655	MTSS1L	chr16:70695106-70719954	-0.208874	0.999791
XLOC_015469	XLOC_015469	YEATS2	chr3:183415605-183530413	-0.208873	0.999791
XLOC_010536	XLOC_010536	CAMSAP3	chr19:7660787-7683196	-0.208847	0.999791
XLOC_008469	XLOC_008469	RRN3P3	chr16:22430866-22503541	-0.208768	0.999791

XLOC_021879	XLOC_021879	LOC729732	chr8:12294521-12523120	-0.208668	0.999791
XLOC_006057	XLOC_006057	KATNAL1	chr13:30776766-30881624	-0.208567	1
XLOC_017159	XLOC_017159	MAST4	chr5:65892175-66465423	-0.20852	0.999791
XLOC_017932	XLOC_017932	CCNJL	chr5:159678670-159739573	-0.208513	0.999791
XLOC_000441	XLOC_000441	LEPR,LEPROT	chr1:65886130-66103176	-0.208443	0.999791
XLOC_017706	XLOC_017706	WDR41	chr5:76728068-76788332	-0.208413	0.999791
XLOC_018940	XLOC_018940	DST	chr6:56137688-56615138	-0.208398	0.999791
XLOC_006854	XLOC_006854	SPTB	chr14:65213000-65289866	-0.208394	0.999791
XLOC_012308	XLOC_012308	FAHD2CP	chr2:96676298-96700727	-0.208215	0.999791
XLOC_018157	XLOC_018157	HLA-F	chr6:29691116-29716826	-0.207992	0.999791
XLOC_013878	XLOC_013878	RALGAPA2	chr20:20370271-20693266	-0.207979	0.999791
XLOC_014160	XLOC_014160	CBR3	chr21:37504064-37528606	-0.207862	0.999791
XLOC_022616	XLOC_022616	LAMC3	chr9:133884503-133968446	-0.207768	1
XLOC_021066	XLOC_021066	SEC61G	chr7:54819939-54826939	-0.207742	0.999791
XLOC_020351	XLOC_020351	RNF216P1	chr7:5013615-5037800	-0.207724	0.999791
XLOC_014512	XLOC_014512	INPP5J	chr22:31518960-31530683	-0.207579	0.999791
XLOC_002956	XLOC_002956	RTKN2	chr10:63952952-64028466	-0.207512	1
XLOC_023686	XLOC_023686	ZNF185	chrX:152082985-152124025	-0.207504	1
XLOC_009326	XLOC_009326	SLC26A11	chr17:78194199-78227308	-0.207502	0.999791
XLOC_017062	XLOC_017062	C5orf38	chr5:2752261-2755511	-0.207479	0.999791
XLOC_016518	XLOC_016518	GAB1	chr4:144257982-144395718	-0.207425	1
XLOC_003036	XLOC_003036	ACTA2	chr10:90694830-90775542	-0.207402	0.999791
XLOC_018208	XLOC_018208	HSPA1A	chr6:31783290-31785719	-0.207322	0.999791
XLOC_009871	XLOC_009871	RNF43	chr17:56378587-56494931	-0.207179	1
XLOC_002678	XLOC_002678	NEURL	chr10:105253734-105352309	-0.207101	0.999791
XLOC_022148	XLOC_022148	EXT1	chr8:118811601-119124058	-0.206989	0.999791
XLOC_013304	XLOC_013304	CLK1	chr2:201717731-201729467	-0.206971	0.999791
XLOC_013698	XLOC_013698	CD40	chr20:44746905-44758384	-0.206907	0.999791
XLOC_002547	XLOC_002547	TSPAN14	chr10:82214037-82282391	-0.206838	0.999791
XLOC_004926	XLOC_004926	MYL6	chr12:56552044-56555366	-0.206798	0.999791
XLOC_017638	XLOC_017638	HMGCS1	chr5:43287571-43313614	-0.20673	0.999791
XLOC_004536	XLOC_004536	USP28	chr11:113668596-113746256	-0.206631	0.999791
XLOC_016088	XLOC_016088	CAMK2N2	chr3:183967444-184010819	-0.206571	0.999791
XLOC_005491	XLOC_005491	ATF7	chr12:53901639-54020199	-0.206269	0.999791
XLOC_018274	XLOC_018274	PIM1	chr6:37137921-37143204	-0.206147	0.999791
XLOC_016167	XLOC_016167	FGFR1	chr4:1005609-1020686	-0.206102	0.999791
XLOC_018552	XLOC_018552	ULBP2	chr6:150263135-150270368	-0.206081	0.999791
XLOC_011588	XLOC_011588	SLC7A10	chr19:33685598-33716756	-0.206004	1
XLOC_020872	XLOC_020872	LOC100128822	chr7:152161208-152162630	-0.205909	0.999791
XLOC_004294	XLOC_004294	ATL3	chr11:63396436-63439083	-0.205837	0.999791
XLOC_020643	XLOC_020643	LAMTOR4	chr7:99746529-99751833	-0.205792	0.999791
XLOC_018969	XLOC_018969	LCA5	chr6:80194707-80247147	-0.205713	1
XLOC_009771	XLOC_009771	HDAC5	chr17:42154120-42201014	-0.205615	0.999791
XLOC_011514	XLOC_011514	SMIM7	chr19:16756958-16770968	-0.205441	0.999791
XLOC_005363	XLOC_005363	TM7SF3	chr12:27124505-27167339	-0.205439	0.999791
XLOC_007527	XLOC_007527	EHD4	chr15:42191638-42264755	-0.205195	0.999791
XLOC_011939	XLOC_011939	LENG1	chr19:54641435-54663446	-0.205146	0.999791
XLOC_015164	XLOC_015164	PTPRG	chr3:61547242-62304622	-0.204962	0.999791
XLOC_011050	XLOC_011050	NR1H2	chr19:50879679-50886285	-0.204671	0.999791
XLOC_011268	XLOC_011268	MED16	chr19:867961-893218	-0.204549	0.999791
XLOC_021422	XLOC_021422	NCAPG2	chr7:158424002-158497520	-0.204472	0.999791
XLOC_024082	XLOC_024082	GPC4	chrX:132435063-132549205	-0.204288	0.999791
XLOC_021102	XLOC_021102	TRIM50	chr7:72726534-72742085	-0.20427	1
XLOC_014593	XLOC_014593	CCDC134	chr22:42196677-42222303	-0.204224	0.999791
XLOC_022941	XLOC_022941	ZNF484	chr9:95607312-95640320	-0.204191	0.999791
XLOC_023359	XLOC_023359	ZNF81	chrX:47696300-47781655	-0.204087	1
XLOC_010371	XLOC_010371	MEX3C	chr18:48700919-48724051	-0.20405	0.999791
XLOC_001955	XLOC_001955	IGSF8	chr1:160061128-160068618	-0.204049	0.999791
XLOC_017933	XLOC_017933	C1QTNF2	chr5:159774774-159797648	-0.204035	0.999791
XLOC_011429	XLOC_011429	SPC24	chr19:11257830-11266484	-0.204033	0.999791
XLOC_006981	XLOC_006981	ANKRD9	chr14:102973197-102976128	-0.203831	0.999791
XLOC_023854	XLOC_023854	PRICKLE3	chrX:49031905-49042776	-0.203801	0.999791
XLOC_000983	XLOC_000983	ADORA1	chr1:203096835-203136533	-0.2037	0.999791
XLOC_013659	XLOC_013659	PLCG1	chr20:39766160-39804357	-0.203651	0.999791
XLOC_012570	XLOC_012570	CCDC150	chr2:197504355-197597530	-0.203501	0.999791
XLOC_022820	XLOC_022820	TPM2	chr9:35681989-35690053	-0.203484	0.999791
XLOC_014699	XLOC_014699	PI4KAP2	chr22:21827286-21871780	-0.203382	0.999791
XLOC_005812	XLOC_005812	C1QTNF9B-AS1	chr13:24304327-24471125	-0.203292	1
XLOC_000580	XLOC_000580	RBM15	chr1:110881944-110889303	-0.203241	0.999791
XLOC_000773	XLOC_000773	BGLAP,PMF1,PMF1-BGLAP	chr1:156182778-156217908	-0.203201	0.999791
XLOC_000984	XLOC_000984	BTG2	chr1:203274663-203278729	-0.203067	0.999791
XLOC_006892	XLOC_006892	NPC2	chr14:74946642-74960084	-0.203027	0.999791
XLOC_004957	XLOC_004957	SLC16A7	chr12:59989820-60183635	-0.202952	1
XLOC_009113	XLOC_009113	ACBD4	chr17:43209966-43221543	-0.202789	0.999791
XLOC_018391	XLOC_018391	TPBG	chr6:83072922-83077133	-0.2027	0.999791
XLOC_007161	XLOC_007161	ITPKA	chr15:41786055-41795757	-0.202694	0.999791
XLOC_023766	XLOC_023766	PIGA	chrX:15337572-15353676	-0.202632	0.999791
XLOC_010349	XLOC_010349	PIAS2	chr18:44390022-44497495	-0.202576	0.999791
XLOC_003335	XLOC_003335	MICAL2	chr11:12132137-12285331	-0.202484	0.999791

XLOC_004920	XLOC_004920	ERBB3	chr12:56473808-56497291	-0.202312	0.999791
XLOC_011738	XLOC_011738	LOC100379224	chr19:44598481-44617336	-0.202187	0.999791
XLOC_000678	XLOC_000678	ECM1	chr1:150480486-150486265	-0.202013	0.999791
XLOC_009855	XLOC_009855	MMD	chr17:53469973-53499341	-0.201891	0.999791
XLOC_014939	XLOC_014939	CRELD1	chr3:9975523-9987097	-0.201864	0.999791
XLOC_003407	XLOC_003407	RAG1	chr1:136589562-36601310	-0.201779	1
XLOC_009017	XLOC_009017	ARHGAP23	chr17:36584719-36668628	-0.201747	0.999791
XLOC_001973	XLOC_001973	B4GALT3	chr1:161141099-161147758	-0.201662	0.999791
XLOC_002931	XLOC_002931	ERCC6.PGBD3	chr10:50664490-50747147	-0.201646	0.999791
XLOC_018436	XLOC_018436	FOXO3	chr6:108881025-109005971	-0.201557	0.999791
XLOC_016504	XLOC_016504	PHF17	chr4:129730778-129796379	-0.201551	0.999791
XLOC_009186	XLOC_009186	SCPEP1	chr17:55055467-55084129	-0.201457	0.999791
XLOC_009355	XLOC_009355	NARF	chr17:80416059-80446143	-0.20145	0.999791
XLOC_020620	XLOC_020620	BHLHA15	chr7:97841565-97842271	-0.201181	0.999791
XLOC_004822	XLOC_004822	CACNB3	chr12:49208214-49222726	-0.201143	0.999791
XLOC_002429	XLOC_002429	RASSF4	chr10:45455218-45490172	-0.201064	0.999791
XLOC_021372	XLOC_021372	ARHGEF35	chr7:143883175-143892791	-0.201057	0.999791
XLOC_014549	XLOC_014549	H1FO	chr22:38201113-38203443	-0.200901	0.999791
XLOC_000424	XLOC_000424	INADL	chr1:62208148-62629591	-0.200892	0.999791
XLOC_000604	XLOC_000604	DCLRE1B	chr1:114447914-114456708	-0.200757	0.999791
XLOC_003427	XLOC_003427	CRY2	chr1:45868668-45904799	-0.200536	0.999791
XLOC_004951	XLOC_004951	LOC100130776	chr12:58118075-58135944	-0.200214	0.999791
XLOC_005241	XLOC_005241	IFFO1	chr12:6648693-6665249	-0.200028	1
XLOC_005451	XLOC_005451	POUF1	chr12:51580718-51611477	-0.199952	0.999791
XLOC_017130	XLOC_017130	NDUFS4	chr5:52856464-52979171	-0.199931	0.999791
XLOC_008126	XLOC_008126	MT1F	chr16:56691854-56693215	-0.19986	0.999791
XLOC_002671	XLOC_002671	WBP1L	chr10:104503726-104576021	-0.199854	0.999791
XLOC_003071	XLOC_003071	ARHGAP19.SLIT1	chr10:98757794-99052430	-0.199842	0.999791
XLOC_008490	XLOC_008490	SULT1A2	chr16:28603263-28608391	-0.199763	1
XLOC_009437	XLOC_009437	PITPNM3	chr17:6354582-6459877	-0.199707	1
XLOC_005702	XLOC_005702	FAM109A	chr12:111798454-111806925	-0.199703	0.999791
XLOC_011791	XLOC_011791	BBC3	chr19:47724078-47736023	-0.199591	0.999791
XLOC_003299	XLOC_003299	SMPD1	chr1:6411643-6416228	-0.199547	0.999791
XLOC_002990	XLOC_002990	P4HA1	chr10:74766979-74856732	-0.199436	0.999791
XLOC_002282	XLOC_002282	SMYD3	chr1:245912641-246670644	-0.199431	0.999791
XLOC_023484	XLOC_023484	UPRT	chrX:74493893-74524732	-0.199405	0.999791
XLOC_018586	XLOC_018586	LOC729603	chr6:160390130-160527583	-0.199377	1
XLOC_005584	XLOC_005584	PTPRR	chr12:71031852-71314584	-0.199359	1
XLOC_009467	XLOC_009467	LSMD1	chr17:7760002-7765600	-0.199217	0.999791
XLOC_013361	XLOC_013361	USP37	chr2:219314973-219433084	-0.19896	0.999791
XLOC_021601	XLOC_021601	UBXN2B	chr8:59323822-59364060	-0.198886	0.999791
XLOC_021750	XLOC_021750	PVT1	chr8:128902873-129113499	-0.19881	0.999791
XLOC_015293	XLOC_015293	DTX3L	chr3:122246759-122294049	-0.19879	0.999791
XLOC_001691	XLOC_001691	PSRC1	chr1:109822175-109825790	-0.198759	0.999791
XLOC_009378	XLOC_009378	RILP	chr17:1549444-1553392	-0.198686	0.999791
XLOC_020420	XLOC_020420	DPY19L2P3	chr7:29685537-29727859	-0.198686	1
XLOC_005411	XLOC_005411	ASB8	chr12:48541571-48551377	-0.198629	0.999791
XLOC_002623	XLOC_002623	ZDHHC16	chr10:99205929-99217127	-0.198539	0.999791
XLOC_010488	XLOC_010488	TJP3	chr19:3708334-3761673	-0.198424	0.999791
XLOC_022972	XLOC_022972	CORO2A	chr9:100883256-100954956	-0.197659	0.999791
XLOC_005744	XLOC_005744	POP5	chr12:121016847-121019201	-0.197656	0.999791
XLOC_010537	XLOC_010537	PET100	chr19:7694670-7698634	-0.197482	0.999791
XLOC_000036	XLOC_000036	TNFRSF14	chr1:2487207-2495267	-0.197428	0.999791
XLOC_016489	XLOC_016489	KIAA1109	chr4:123091757-123283914	-0.197369	0.999791
XLOC_011599	XLOC_011599	FAM187B	chr19:35715703-35719628	-0.197315	1
XLOC_012296	XLOC_012296	RPIA	chr2:88991175-89050452	-0.197231	0.999791
XLOC_009784	XLOC_009784	KIF18B	chr17:43002078-43025079	-0.197207	0.999791
XLOC_003357	XLOC_003357	LDHA	chr1:18415935-18429765	-0.197084	0.999791
XLOC_009857	XLOC_009857	C17orf67	chr17:54869273-54911256	-0.19703	0.999791
XLOC_020654	XLOC_020654	MOSPD3	chr7:100209724-100213000	-0.197025	0.999791
XLOC_022623	XLOC_022623	POMT1	chr9:134378288-134406662	-0.197009	0.999791
XLOC_006876	XLOC_006876	COX16.SYNJ2BP.SYNJ2BP-COX	chr14:70791797-70883807	-0.196965	0.999791
XLOC_002334	XLOC_002334	LOC399715	chr10:6319649-6377937	-0.196831	0.999791
XLOC_018129	XLOC_018129	HIST1H3H	chr6:27777841-27778314	-0.196823	0.999791
XLOC_017004	XLOC_017004	FBXO8	chr4:175157809-175254531	-0.196777	0.999791
XLOC_019073	XLOC_019073	PTPRK	chr6:128289923-128841870	-0.196632	0.999791
XLOC_004540	XLOC_004540	CADM1	chr1:115044344-115375241	-0.196569	0.999791
XLOC_011634	XLOC_011634	ZNF571	chr19:38039850-38105079	-0.196534	0.999791
XLOC_017455	XLOC_017455	PTTG1	chr5:159848864-159855746	-0.196511	0.999791
XLOC_020473	XLOC_020473	CCM2	chr7:45039344-45116069	-0.196484	0.999791
XLOC_017979	XLOC_017979	DOK3	chr5:176928905-176937427	-0.196431	0.999791
XLOC_013184	XLOC_013184	STAM2	chr2:152973314-153032506	-0.196336	0.999791
XLOC_010689	XLOC_010689	CCDC124	chr19:18043823-18054794	-0.196266	0.999791
XLOC_003442	XLOC_003442	MADD	chr11:47290926-47351582	-0.196241	0.999791
XLOC_015838	XLOC_015838	CLDND1	chr3:98234316-98241910	-0.196235	0.999791
XLOC_003340	XLOC_003340	ARNTL	chr1:13299324-13408812	-0.196232	0.999791
XLOC_011990	XLOC_011990	VN1R1	chr19:57966541-57968107	-0.196215	1
XLOC_021057	XLOC_021057	HUS1	chr7:48002884-48019222	-0.196211	0.999791
XLOC_018136	XLOC_018136	ZNF165	chr6:28048481-28057340	-0.195798	0.999791

XLOC_001183	XLOC_001183	LOC100288069	chr1:700244-714068	-0.195722	0.999791
XLOC_013196	XLOC_013196	CD302.LY75.LY75-CD302	chr2:160625138-160761267	-0.195689	0.999791
XLOC_018787	XLOC_018787	LOC100507547	chr6:32120578-32145888	-0.195679	0.999791
XLOC_023423	XLOC_023423	MAGED2	chrX:54834170-54842445	-0.195619	0.999791
XLOC_015694	XLOC_015694	SLC26A6	chr3:48663155-48672926	-0.195584	0.999791
XLOC_008198	XLOC_008198	HAS3	chr16:69139466-69166493	-0.195577	0.999791
XLOC_007834	XLOC_007834	RHBDL1	chr16:726074-728267	-0.195501	0.999791
XLOC_016099	XLOC_016099	DGKG	chr3:185864989-186080023	-0.195496	0.999791
XLOC_012124	XLOC_012124	LCLAT1	chr2:30670122-30867091	-0.195333	0.999791
XLOC_014865	XLOC_014865	POLDIP3	chr22:42979726-43010962	-0.194994	0.999791
XLOC_018309	XLOC_018309	SRF	chr6:43138919-43149244	-0.194992	0.999791
XLOC_004152	XLOC_004152	TP53I1	chr1:144785975-44972857	-0.19496	0.999791
XLOC_023272	XLOC_023272	MOSPD2	chrX:14891526-14939459	-0.1949	0.999791
XLOC_005886	XLOC_005886	NUDT15	chr13:48611702-48621282	-0.194884	0.999791
XLOC_003602	XLOC_003602	ZFPL1	chr1:164851693-64856542	-0.194803	0.999791
XLOC_013109	XLOC_013109	CKAP2L	chr2:113495443-113522254	-0.194702	0.999791
XLOC_021155	XLOC_021155	CYP51A1	chr7:91741462-91764059	-0.1947	0.999791
XLOC_002905	XLOC_002905	AGAP4	chr10:46321049-46342921	-0.1946	0.999791
XLOC_011438	XLOC_011438	ECSIT.ZNF653	chr19:11594241-11639987	-0.194586	0.999791
XLOC_013462	XLOC_013462	MTERFD2	chr2:241938254-242041747	-0.194584	0.999791
XLOC_006317	XLOC_006317	AKAP6	chr14:32798478-33302268	-0.194515	1
XLOC_005820	XLOC_005820	NUPL1	chr13:25875665-25916561	-0.194336	0.999791
XLOC_010780	XLOC_010780	LSR	chr19:35739558-35758867	-0.194282	0.999791
XLOC_020418	XLOC_020418	CHN2	chr7:29234120-29553944	-0.194247	0.999791
XLOC_017749	XLOC_017749	ERAP1	chr5:95997740-96149848	-0.194123	0.999791
XLOC_015632	XLOC_015632	PLCD1	chr3:38048986-38071154	-0.194059	0.999791
XLOC_015772	XLOC_015772	SELK	chr3:53919225-53925989	-0.193996	0.999791
XLOC_007621	XLOC_007621	DAPK2	chr15:64199234-64338521	-0.193952	0.999791
XLOC_009145	XLOC_009145	HOBX-AS3	chr17:46667822-46683774	-0.193849	0.999791
XLOC_011753	XLOC_011753	PPP1R13L	chr19:45882891-45927177	-0.193716	0.999791
XLOC_012110	XLOC_012110	MRPL33	chr2:27994583-28002608	-0.19349	0.999791
XLOC_000210	XLOC_000210	ARID1A	chr1:27022521-27108601	-0.193479	0.999791
XLOC_007700	XLOC_007700	IMP3	chr15:75931425-75932664	-0.193442	0.999791
XLOC_020550	XLOC_020550	CLIP2	chr7:73703804-73820273	-0.193322	0.999791
XLOC_020787	XLOC_020787	ADCK2	chr7:140372952-140394908	-0.193252	0.999791
XLOC_001420	XLOC_001420	TMEM234	chr1:32681797-32687926	-0.193137	0.999791
XLOC_016411	XLOC_016411	CDS1	chr4:85504056-85572493	-0.193089	0.999791
XLOC_001414	XLOC_001414	PEF1	chr1:32095462-32110838	-0.192992	0.999791
XLOC_009312	XLOC_009312	TMC8	chr17:76108998-76139049	-0.192819	1
XLOC_003617	XLOC_003617	SCYL1	chr1:165292547-65325699	-0.192726	0.999791
XLOC_014494	XLOC_014494	GAS2L1	chr22:29702996-29708774	-0.192723	0.999791
XLOC_008811	XLOC_008811	KCTD11	chr17:7255207-7258262	-0.192655	0.999791
XLOC_013209	XLOC_013209	COBLL1	chr2:165541257-165697928	-0.192628	1
XLOC_022445	XLOC_022445	PTPDC1	chr9:96793075-96872138	-0.192563	0.999791
XLOC_021170	XLOC_021170	PON1	chr7:94927668-94953884	-0.192457	1
XLOC_007605	XLOC_007605	HSP90AB4P	chr15:58888509-59042177	-0.192373	1
XLOC_016155	XLOC_016155	KIAA0226	chr3:197398258-197511317	-0.192314	0.999791
XLOC_023658	XLOC_023658	FMR1	chrX:146990948-147032647	-0.192198	0.999791
XLOC_013693	XLOC_013693	ZSWIM1	chr20:44509847-44513905	-0.192124	0.999791
XLOC_020584	XLOC_020584	GNAI1	chr7:79764139-79848725	-0.192031	0.999791
XLOC_001299	XLOC_001299	FBXO42	chr1:16576558-16678948	-0.191911	0.999791
XLOC_001658	XLOC_001658	BCAR3	chr1:94027342-94312706	-0.191899	0.999791
XLOC_005124	XLOC_005124	RNFT2	chr12:117176095-117291436	-0.191888	0.999791
XLOC_011467	XLOC_011467	GADD45GIP1	chr19:13064969-13068068	-0.191766	0.999791
XLOC_002673	XLOC_002673	CNNM2	chr10:104678074-104838344	-0.191761	0.999791
XLOC_021934	XLOC_021934	ZNF395	chr8:28203101-28243977	-0.191695	0.999791
XLOC_022018	XLOC_022018	PDE7A	chr8:66626568-66753969	-0.19169	0.999791
XLOC_021688	XLOC_021688	LAPTM4B	chr8:98787808-98864830	-0.191631	0.999791
XLOC_010442	XLOC_010442	CNN2	chr19:1026297-1039064	-0.19151	0.999791
XLOC_024155	XLOC_024155	TMEM185A	chrX:148678215-148713487	-0.191465	0.999791
XLOC_005666	XLOC_005666	SLC41A2	chr12:105197274-105322472	-0.191356	0.999791
XLOC_001332	XLOC_001332	DDOST	chr1:20978259-20988037	-0.190956	0.999791
XLOC_004865	XLOC_004865	SOAT2	chr12:53497273-53518323	-0.19095	1
XLOC_021504	XLOC_021504	SORBS3	chr8:22409250-22433008	-0.190927	0.999791
XLOC_004674	XLOC_004674	NCAPD2	chr12:6603297-6641132	-0.190717	0.999791
XLOC_023303	XLOC_023303	PKD3	chrX:24483343-24568583	-0.190653	0.999791
XLOC_009591	XLOC_009591	GIT1	chr17:27900486-27916610	-0.19061	0.999791
XLOC_021855	XLOC_021855	PPP1R3B	chr8:8993763-9009152	-0.190439	0.999791
XLOC_010302	XLOC_010302	ESCO1	chr18:19109261-19180693	-0.190387	0.999791
XLOC_022281	XLOC_022281	UHRF2	chr9:6413150-6507051	-0.190157	0.999791
XLOC_001896	XLOC_001896	RIT1	chr1:155867598-155881193	-0.190128	0.999791
XLOC_012370	XLOC_012370	LOC440894	chr2:110744556-110752858	-0.190082	0.999791
XLOC_014569	XLOC_014569	TAB1	chr22:39795758-39833133	-0.190038	0.999791
XLOC_017747	XLOC_017747	ELL2	chr5:95220801-95297775	-0.189812	0.999791
XLOC_017190	XLOC_017190	ARHGEF28	chr5:72921982-73237818	-0.189795	0.999791
XLOC_004371	XLOC_004371	MTL5	chr11:68474907-68518988	-0.189731	0.999791
XLOC_012674	XLOC_012674	ACSL3	chr2:223725731-223808119	-0.189651	0.999791
XLOC_004328	XLOC_004328	RNASEH2C	chr11:65479472-65488409	-0.189625	0.999791
XLOC_020382	XLOC_020382	AHR	chr7:17338275-17385775	-0.189556	1

XLOC_016006	XLOC_016006	SIAH2	chr3:150458909-150481263	-0.189501	0.999791
XLOC_023919	XLOC_023919	SNX12	chrX:70279096-70293276	-0.189283	0.999791
XLOC_007745	XLOC_007745	LOC283693	chr15:83394649-83408532	-0.189273	1
XLOC_022738	XLOC_022738	PLIN2	chr9:19115758-19127604	-0.189219	0.999791
XLOC_023891	XLOC_023891	FAM104B	chrX:55169534-55187628	-0.189169	0.999791
XLOC_024110	XLOC_024110	ARHGEF6	chrX:135747711-135863503	-0.189158	0.999791
XLOC_007747	XLOC_007747	HOMER2	chr15:83517728-83621476	-0.189128	1
XLOC_014869	XLOC_014869	ARFGAP3	chr22:43192531-43253408	-0.189081	0.999791
XLOC_007607	XLOC_007607	MYO1E	chr15:59428167-59665071	-0.189002	0.999791
XLOC_021235	XLOC_021235	POLR2J3	chr7:102178365-102213068	-0.188717	0.999791
XLOC_009311	XLOC_009311	TNRC6C	chr17:76000317-76107880	-0.188709	0.999791
XLOC_014386	XLOC_014386	LSS	chr21:47608359-47648738	-0.188666	0.999791
XLOC_002077	XLOC_002077	IVNS1ABP	chr1:185265521-185286461	-0.188618	0.999791
XLOC_014427	XLOC_014427	CRKL	chr22:21271713-21308037	-0.188517	0.999791
XLOC_021213	XLOC_021213	C7orf61	chr7:100054237-100061894	-0.188505	0.999791
XLOC_002430	XLOC_002430	ZNF22	chr10:45493145-45500777	-0.188456	0.999791
XLOC_011834	XLOC_011834	SLC6A16	chr19:49792891-49828474	-0.188386	1
XLOC_021163	XLOC_021163	HEPACAM2	chr7:92817898-92855782	-0.18833	1
XLOC_016327	XLOC_016327	KIAA1211	chr4:57036360-57196890	-0.188219	0.999791
XLOC_012715	XLOC_012715	ATG16L1	chr2:234160216-234204320	-0.188149	0.999791
XLOC_007311	XLOC_007311	C15orf39	chr15:75494220-75504510	-0.188001	0.999791
XLOC_008221	XLOC_008221	MARVELD3	chr16:71660055-71675868	-0.187733	0.999791
XLOC_012978	XLOC_012978	PRADC1	chr2:73455133-73460356	-0.187701	0.999791
XLOC_009030	XLOC_009030	STARD3	chr17:37793332-37820454	-0.187682	0.999791
XLOC_012077	XLOC_012077	CENPO	chr2:25013135-25142055	-0.187628	0.999791
XLOC_021409	XLOC_021409	MLL3	chr7:151832009-152133090	-0.187615	0.999791
XLOC_001213	XLOC_001213	TMEM52	chr1:1849028-1850740	-0.187516	0.999791
XLOC_012038	XLOC_012038	RNF144A	chr2:7052406-7184309	-0.187504	0.999791
XLOC_000552	XLOC_000552	FAM102B	chr1:109102970-109181949	-0.187447	0.999791
XLOC_010560	XLOC_010560	ORD7D	chr19:9296269-9299493	-0.187438	1
XLOC_011984	XLOC_011984	ZNF582	chr19:56894647-56904889	-0.187411	1
XLOC_015265	XLOC_015265	GRAMD1C	chr3:113557680-113666021	-0.187341	0.999791
XLOC_000656	XLOC_000656	NBPF16	chr1:148739441-148758311	-0.187332	0.999791
XLOC_010574	XLOC_010574	ICAM1	chr19:10381516-10397291	-0.187302	0.999791
XLOC_006730	XLOC_006730	EMC9	chr14:24605377-24610797	-0.187271	0.999791
XLOC_003440	XLOC_003440	DDB2	chr11:47236492-47260769	-0.187258	0.999791
XLOC_021987	XLOC_021987	PCMTD1	chr8:52730139-52811735	-0.187188	0.999791
XLOC_006886	XLOC_006886	ELMSAN1	chr14:74181824-74253896	-0.18717	0.999791
XLOC_007697	XLOC_007697	SIN3A	chr15:75661719-75748124	-0.187101	0.999791
XLOC_015064	XLOC_015064	KIF15	chr3:44803208-44894748	-0.187039	0.999791
XLOC_000060	XLOC_000060	CAMTA1	chr1:6845383-7829766	-0.186991	0.999791
XLOC_018650	XLOC_018650	GFOD1	chr6:13363586-13487869	-0.186986	0.999791
XLOC_007275	XLOC_007275	PAQR5	chr15:69591293-69699976	-0.186955	0.999791
XLOC_005144	XLOC_005144	ACADS	chr12:121163570-121177811	-0.186839	0.999791
XLOC_018408	XLOC_018408	PNRC1	chr6:89790428-89794879	-0.186835	0.999791
XLOC_017217	XLOC_017217	RASGRF2	chr5:80256507-81047072	-0.186717	1
XLOC_001566	XLOC_001566	FAM151A	chr1:55013806-55100417	-0.186655	1
XLOC_013631	XLOC_013631	EPB41L1	chr20:34679425-34820721	-0.186653	0.999791
XLOC_004176	XLOC_004176	C1QTNF4	chr11:47611215-47615961	-0.186616	0.999791
XLOC_015887	XLOC_015887	TMEM39A	chr3:119147806-119182529	-0.1865	0.999791
XLOC_023627	XLOC_023627	DDX26B	chrX:134654554-134716460	-0.186411	0.999791
XLOC_009805	XLOC_009805	SCRN2	chr17:45908992-45918699	-0.186262	0.999791
XLOC_020363	XLOC_020363	ZDHHC4	chr7:6617064-6628610	-0.186221	0.999791
XLOC_013690	XLOC_013690	UBE2C	chr20:44441254-44445596	-0.186193	0.999791
XLOC_005252	XLOC_005252	SPSB2	chr12:6976583-6982521	-0.186179	0.999791
XLOC_014228	XLOC_014228	DIP2A	chr21:47878861-47989926	-0.186157	0.999791
XLOC_004438	XLOC_004438	PRCP	chr11:82535408-82611557	-0.186105	0.999791
XLOC_003654	XLOC_003654	KDM2A	chr11:66886739-67025550	-0.186072	0.999791
XLOC_012156	XLOC_012156	LOC100129726	chr2:43454349-43455994	-0.18596	1
XLOC_013949	XLOC_013949	SCAND1	chr20:34541538-34543281	-0.185925	0.999791
XLOC_005148	XLOC_005148	RNF34	chr12:121837885-121862155	-0.185905	0.999791
XLOC_016426	XLOC_016426	HERC3	chr4:89513573-89629693	-0.185868	0.999791
XLOC_010062	XLOC_010062	WDR45B	chr17:80572437-80606411	-0.185847	0.999791
XLOC_021382	XLOC_021382	EZH2	chr7:148504463-148581441	-0.18578	0.999791
XLOC_016928	XLOC_016928	PGRMC2	chr4:129190391-129209984	-0.185595	0.999791
XLOC_007248	XLOC_007248	SNX22	chr15:64443915-64455354	-0.185575	0.999791
XLOC_010051	XLOC_010051	STRA13	chr17:79976578-79980785	-0.18555	0.999791
XLOC_014114	XLOC_014114	MIR155,MIR155HG	chr21:26934456-26947480	-0.185125	0.999791
XLOC_005306	XLOC_005306	TAS2R20	chr12:10998447-11328619	-0.184953	1
XLOC_020526	XLOC_020526	STAG3L4	chr7:66767624-66786513	-0.184922	0.999791
XLOC_015825	XLOC_015825	GBE1	chr3:81538849-81810950	-0.184852	0.999791
XLOC_010797	XLOC_010797	MLL4	chr19:36208920-36229779	-0.184845	0.999791
XLOC_000208	XLOC_000208	RPS6KA1	chr1:26856248-26901520	-0.184813	0.999791
XLOC_002622	XLOC_002622	PGAM1	chr10:99186026-99193198	-0.184581	0.999791
XLOC_010889	XLOC_010889	CD79A	chr19:42381189-42385439	-0.184555	0.999791
XLOC_000784	XLOC_000784	PEAR1	chr1:156863522-156886226	-0.184478	0.999791
XLOC_008822	XLOC_008822	TNFSF12,TNFSF12-TNFSF13,TN	chr17:7452374-7464925	-0.184463	0.999791
XLOC_016185	XLOC_016185	HTT	chr4:3076407-3245687	-0.184458	0.999791
XLOC_006269	XLOC_006269	ARHGEF40	chr14:21538526-21558036	-0.184454	0.999791

XLOC_017649	XLOC_017649	ARL15	chr5:53180613-53606403	-0.184376	0.999791
XLOC_006804	XLOC_006804	SAV1	chr14:51100297-51135071	-0.184283	0.999791
XLOC_004252	XLOC_004252	TMEM258	chr11:61556601-61560085	-0.184279	0.999791
XLOC_000304	XLOC_000304	RLF	chr1:40627040-40706593	-0.184232	0.999791
XLOC_020381	XLOC_020381	TSPAN13	chr7:16793350-16824161	-0.184157	0.999791
XLOC_001257	XLOC_001257	CTNNBIP1	chr1:99083333-9970316	-0.184147	0.999791
XLOC_023744	XLOC_023744	LOC389906	chrX:3735575-3761935	-0.184083	0.999791
XLOC_011868	XLOC_011868	FAM71E1	chr19:50970044-50986608	-0.183985	0.999791
XLOC_012261	XLOC_012261	POLE4	chr2:75185774-75196859	-0.18392	0.999791
XLOC_019004	XLOC_019004	MMS22L	chr6:97372495-97862283	-0.18391	0.999791
XLOC_011783	XLOC_011783	PRKD2	chr19:47150868-47220384	-0.183771	0.999791
XLOC_009286	XLOC_009286	MYO15B	chr17:73584138-73663269	-0.18376	0.999791
XLOC_003221	XLOC_003221	B4GALNT4	chr11:369794-382117	-0.183587	0.999791
XLOC_014259	XLOC_014259	LTN1	chr21:30300465-30365277	-0.183442	0.999791
XLOC_007293	XLOC_007293	CD276	chr15:73976621-74006859	-0.183419	0.999791
XLOC_015590	XLOC_015590	ZFYVE20	chr3:15111579-15140655	-0.183404	0.999791
XLOC_022000	XLOC_022000	PLAG1	chr8:57073467-57123859	-0.183373	0.999791
XLOC_007180	XLOC_007180	PDIA3	chr15:44038589-44094769	-0.183323	0.999791
XLOC_002583	XLOC_002583	IFIT1	chr10:91152302-91166244	-0.183303	1
XLOC_002244	XLOC_002244	EGLN1	chr1:231499496-231560790	-0.183292	0.999791
XLOC_005227	XLOC_005227	FOXN1	chr12:2945981-2998691	-0.183292	0.999791
XLOC_003565	XLOC_003565	TTC9C	chr11:62495951-62506108	-0.183225	0.999791
XLOC_009925	XLOC_009925	AXIN2	chr17:63524682-63557740	-0.183191	0.999791
XLOC_022190	XLOC_022190	ZFAT	chr8:135490030-135725292	-0.182944	0.999791
XLOC_005776	XLOC_005776	NCOR2	chr12:124808956-125052010	-0.182913	0.999791
XLOC_010544	XLOC_010544	EVISL	chr19:7895160-7929862	-0.182831	0.999791
XLOC_006777	XLOC_006777	FOXA1	chr14:38058756-38064325	-0.182771	0.999791
XLOC_008862	XLOC_008862	ARHGAP44	chr17:12692828-12921381	-0.182619	0.999791
XLOC_020868	XLOC_020868	PRKAG2-AS1	chr7:151253200-151576308	-0.182607	0.999791
XLOC_018237	XLOC_018237	RING1	chr6:33176285-33180499	-0.1826	0.999791
XLOC_009327	XLOC_009327	RNF213	chr17:78234659-78411884	-0.182395	0.999791
XLOC_010913	XLOC_010913	ZNF223	chr19:44556163-44572142	-0.182298	0.999791
XLOC_002792	XLOC_002792	KLF6	chr10:3818187-3827473	-0.182297	0.999791
XLOC_022166	XLOC_022166	TMEM65	chr8:125323158-125384940	-0.182215	0.999791
XLOC_011793	XLOC_011793	MEIS3	chr19:47906374-47922785	-0.182056	0.999791
XLOC_008694	XLOC_008694	PKD1L2	chr16:81134483-81253975	-0.182009	1
XLOC_001341	XLOC_001341	WNT4	chr1:22443797-22469519	-0.1817	0.999791
XLOC_011768	XLOC_011768	IRF2BP1	chr19:46386865-46389376	-0.181698	0.999791
XLOC_023088	XLOC_023088	ST6GALNAC6	chr9:130647600-130661871	-0.18145	0.999791
XLOC_006922	XLOC_006922	SEL1L	chr14:81937890-82000205	-0.181423	0.999791
XLOC_001562	XLOC_001562	TMEM59	chr1:54497348-54519111	-0.181344	0.999791
XLOC_010701	XLOC_010701	KXD1	chr19:18668571-18680197	-0.181285	0.999791
XLOC_014979	XLOC_014979	KAT2B	chr3:20081523-20195896	-0.180909	0.999791
XLOC_018342	XLOC_018342	C6orf1141	chr6:49518112-49519808	-0.180868	0.999791
XLOC_012741	XLOC_012741	GPC1	chr2:241375114-241407495	-0.180462	0.999791
XLOC_023956	XLOC_023956	TAF9B	chrX:77385244-77395179	-0.180434	0.999791
XLOC_011332	XLOC_011332	C19orf10	chr19:4657556-46700415	-0.180415	0.999791
XLOC_015966	XLOC_015966	STAG1	chr3:136055998-136471245	-0.180316	0.999791
XLOC_002069	XLOC_002069	SMG7-AS1	chr1:183430010-183441117	-0.180312	1
XLOC_001367	XLOC_001367	LOC646471	chr1:26146396-26159433	-0.180269	1
XLOC_014403	XLOC_014403	DGCR6	chr22:18893735-18899601	-0.180046	0.999791
XLOC_004936	XLOC_004936	LRP1	chr12:57522281-57607125	-0.179991	0.999791
XLOC_005423	XLOC_005423	RND1	chr12:49250915-49259653	-0.179937	0.999791
XLOC_021805	XLOC_021805	MFSD3	chr8:145734551-145736589	-0.179917	0.999791
XLOC_012091	XLOC_012091	TMEM214	chr2:27255773-27264565	-0.179884	0.999791
XLOC_004975	XLOC_004975	DYRK2	chr12:68042511-68056444	-0.179869	0.999791
XLOC_017437	XLOC_017437	SAP30L	chr5:153825516-153840613	-0.179447	0.999791
XLOC_004827	XLOC_004827	TROAP	chr12:49716970-49725514	-0.179423	0.999791
XLOC_013549	XLOC_013549	LOC100270804	chr20:18768614-18776709	-0.179311	0.999791
XLOC_021686	XLOC_021686	CPQ	chr8:97657498-98155722	-0.17924	0.999791
XLOC_006415	XLOC_006415	EXD2	chr14:69658193-69710737	-0.179239	0.999791
XLOC_010895	XLOC_010895	PRR19	chr19:42801184-42814973	-0.179235	0.999791
XLOC_002002	XLOC_002002	GPR161	chr1:168048779-168106905	-0.179177	0.999791
XLOC_013231	XLOC_013231	DLX2	chr2:172964165-172967478	-0.179173	0.999791
XLOC_006025	XLOC_006025	LATS2	chr13:21547175-21635722	-0.179032	0.999791
XLOC_023837	XLOC_023837	ZNF630	chrX:47917566-47931025	-0.178961	0.999791
XLOC_015012	XLOC_015012	GOLGA4	chr3:37284681-37408370	-0.178946	0.999791
XLOC_018271	XLOC_018271	C6orf89	chr6:36853639-36896740	-0.178935	0.999791
XLOC_009103	XLOC_009103	TMUB2	chr17:42264353-42269099	-0.178904	0.999791
XLOC_010710	XLOC_010710	SLC25A42	chr19:19174802-19223841	-0.178893	0.999791
XLOC_015769	XLOC_015769	DCP1A	chr3:53317444-53381654	-0.178892	0.999791
XLOC_021185	XLOC_021185	BAIAP2L1	chr7:97910978-98030427	-0.178867	0.999791
XLOC_002775	XLOC_002775	ZNF511	chr10:135092133-135126666	-0.178781	0.999791
XLOC_010015	XLOC_010015	CBX4	chr17:77806954-77813213	-0.178561	0.999791
XLOC_021963	XLOC_021963	WHSC1L1	chr8:38132560-38239790	-0.178527	0.999791
XLOC_010190	XLOC_010190	C18orf25	chr18:43753987-43846955	-0.178506	0.999791
XLOC_022569	XLOC_022569	SLC2A8	chr9:130159416-130170170	-0.178375	0.999791
XLOC_018176	XLOC_018176	C6orf136	chr6:30614815-30640830	-0.178343	0.999791
XLOC_001477	XLOC_001477	GPCAL4	chr1:40144644-40157089	-0.178247	0.999791

XLOC_001338	XLOC_001338	RAP1GAP	chr1:21922707-21995856	-0.178217	0.999791
XLOC_013036	XLOC_013036	LOC654342	chr2:91824708-91847975	-0.178171	0.999791
XLOC_014491	XLOC_014491	KREMEN1	chr22:29469065-29564321	-0.178055	0.999791
XLOC_011755	XLOC_011755	RTN2	chr19:45988545-46000313	-0.177955	0.999791
XLOC_009602	XLOC_009602	EVI2B	chr17:29421944-29704695	-0.177788	1
XLOC_013329	XLOC_013329	FZD5	chr2:208627309-208634143	-0.17759	0.999791
XLOC_003952	XLOC_003952	PIDD	chr11:799178-805250	-0.177568	0.999791
XLOC_004915	XLOC_004915	CDK2	chr12:56360555-56366568	-0.177504	0.999791
XLOC_022940	XLOC_022940	BICD2	chr9:95473644-95527083	-0.177478	0.999791
XLOC_017559	XLOC_017559	LOC728613	chr5:1597671-1634120	-0.177442	0.999791
XLOC_003726	XLOC_003726	ACER3	chr11:76571916-76734850	-0.177401	0.999791
XLOC_022840	XLOC_022840	SHB	chr9:37915894-38069210	-0.177399	0.999791
XLOC_015669	XLOC_015669	ALS2CL	chr3:46710484-46735194	-0.177368	0.999791
XLOC_022248	XLOC_022248	C8orf82,LRRC24	chr8:145743348-145754458	-0.177236	0.999791
XLOC_011041	XLOC_011041	PTOV1	chr19:50341902-50363999	-0.177205	0.999791
XLOC_009291	XLOC_009291	UNK	chr17:73780919-73821886	-0.176953	0.999791
XLOC_021160	XLOC_021160	CDK6	chr7:92234234-92465941	-0.176871	0.999791
XLOC_004548	XLOC_004548	LOC100652768	chr11:117049938-117075508	-0.176791	0.999791
XLOC_010483	XLOC_010483	FZR1	chr19:3506294-3536755	-0.176766	0.999791
XLOC_009886	XLOC_009886	HEATR6	chr17:58120551-58156292	-0.176764	0.999791
XLOC_007966	XLOC_007966	COQ7	chr16:19078916-19091417	-0.176715	0.999791
XLOC_013787	XLOC_013787	SLC2A4RG	chr20:62371210-62436856	-0.176626	0.999791
XLOC_000744	XLOC_000744	CKS1B	chr1:154947117-154951725	-0.176538	0.999791
XLOC_004168	XLOC_004168	PACSIN3	chr11:47199072-47208010	-0.176503	0.999791
XLOC_004067	XLOC_004067	LOC644656	chr1:19481102-9482245	-0.176471	0.999791
XLOC_007405	XLOC_007405	BLM	chr15:91260578-91358686	-0.176388	0.999791
XLOC_021533	XLOC_021533	EXTL3	chr8:28558989-28611207	-0.176365	0.999791
XLOC_002639	XLOC_002639	RAB1B	chr11:66036055-66044963	-0.176294	0.999791
XLOC_004370	XLOC_004370	C11orf24	chr11:68028802-68039469	-0.176267	0.999791
XLOC_013318	XLOC_013318	RAPH1	chr2:204298538-204400058	-0.176144	0.999791
XLOC_022290	XLOC_022290	SH3GL2	chr9:17578952-17797122	-0.176108	1
XLOC_002988	XLOC_002988	MICU1	chr10:74119697-74385949	-0.175999	0.999791
XLOC_006231	XLOC_006231	DCUN1D2	chr13:114110133-114145023	-0.175825	0.999791
XLOC_011279	XLOC_011279	MEX3D	chr19:1554667-1568057	-0.17582	0.999791
XLOC_010866	XLOC_010866	SHKBP1	chr19:41082756-41097305	-0.175688	0.999791
XLOC_020697	XLOC_020697	DNAJB9	chr7:108210188-108215294	-0.175675	0.999791
XLOC_018922	XLOC_018922	MCM3	chr6:52128811-52149679	-0.175642	0.999791
XLOC_008953	XLOC_008953	TP53I13	chr17:27895738-27900175	-0.175375	0.999791
XLOC_001774	XLOC_001774	PRKAB2	chr1:146626684-146644129	-0.175353	0.999791
XLOC_004726	XLOC_004726	GABARAPL1	chr12:10365488-10375724	-0.175293	0.999791
XLOC_017774	XLOC_017774	FEM1C	chr5:114856607-114880591	-0.175169	0.999791
XLOC_023104	XLOC_023104	ZER1	chr9:131486740-131534213	-0.175167	0.999791
XLOC_014860	XLOC_014860	CYP2D7P1	chr22:42536213-42540575	-0.175094	0.999791
XLOC_008683	XLOC_008683	CHST6	chr16:75507021-75528926	-0.175074	1
XLOC_010728	XLOC_010728	ZNF493	chr19:21579920-21610296	-0.175035	0.999791
XLOC_012273	XLOC_012273	ELMOD3	chr2:85581842-85618875	-0.174904	0.999791
XLOC_011500	XLOC_011500	AKAP8L	chr19:15490858-15529833	-0.174902	0.999791
XLOC_017786	XLOC_017786	MARCH3	chr5:126203405-126366440	-0.174901	1
XLOC_008054	XLOC_008054	PRR14	chr16:30662240-30667734	-0.174727	0.999791
XLOC_002605	XLOC_002605	PLCE1	chr10:95753745-96088148	-0.174683	1
XLOC_015442	XLOC_015442	GPR160	chr3:169755734-169803183	-0.174641	0.999791
XLOC_012942	XLOC_012942	SERTAD2	chr2:64858754-64881046	-0.174612	0.999791
XLOC_011442	XLOC_011442	ZNF433	chr19:12125531-12146525	-0.174611	0.999791
XLOC_016407	XLOC_016407	THAP9	chr4:83814604-83841284	-0.174568	0.999791
XLOC_022727	XLOC_022727	NFIB	chr9:14081841-14398982	-0.174544	0.999791
XLOC_005624	XLOC_005624	BTG1,LOC256021	chr12:92378751-92539673	-0.174412	0.999791
XLOC_019139	XLOC_019139	RAET1E	chr6:150139893-150244214	-0.174383	1
XLOC_010261	XLOC_010261	HSBP1L1	chr18:77724581-77730822	-0.174379	0.999791
XLOC_002707	XLOC_002707	FAM160B1	chr10:116581502-116659586	-0.174348	0.999791
XLOC_014499	XLOC_014499	UOCR10	chr22:30163357-30166402	-0.174302	0.999791
XLOC_022242	XLOC_022242	SLC39A4	chr8:145637797-145642273	-0.174294	0.999791
XLOC_021555	XLOC_021555	LETM2	chr8:38243958-38266062	-0.174293	0.999791
XLOC_011838	XLOC_011838	SLC17A7	chr19:49932654-49944808	-0.174182	0.999791
XLOC_017805	XLOC_017805	ZCCHC10	chr5:132332677-132362240	-0.174033	0.999791
XLOC_013660	XLOC_013660	LPIN3	chr20:39969559-39995498	-0.173996	0.999791
XLOC_014478	XLOC_014478	CRYBB2P1	chr22:25844053-25857645	-0.173943	0.999791
XLOC_011257	XLOC_011257	FLJ45445	chr19:197015-202209	-0.173922	1
XLOC_016304	XLOC_016304	SLAIN2	chr4:48343612-48428215	-0.173874	0.999791
XLOC_012869	XLOC_012869	EIF2AK2	chr2:37332283-37384190	-0.173801	0.999791
XLOC_017271	XLOC_017271	AP3S1	chr5:115177618-115249778	-0.17371	0.999791
XLOC_019046	XLOC_019046	HDAC2	chr6:114257319-114292359	-0.173684	0.999791
XLOC_004698	XLOC_004698	CLSTN3	chr12:7282966-7311530	-0.173683	0.999791
XLOC_007623	XLOC_007623	PPIB	chr15:64443915-64455354	-0.173654	0.999791
XLOC_008543	XLOC_008543	HERC2P4	chr16:32162608-32163874	-0.173377	0.999791
XLOC_023953	XLOC_023953	ATRX	chrX:76760355-77041719	-0.173299	0.999791
XLOC_013037	XLOC_013037	ANKRD20A8P,LOC90499	chr2:95421070-95522820	-0.173191	1
XLOC_016913	XLOC_016913	PRDM5	chr4:121615928-121844013	-0.173147	0.999791
XLOC_006394	XLOC_006394	SYNE2	chr14:64319682-64693167	-0.173143	0.999791
XLOC_011803	XLOC_011803	LIG1	chr19:48618702-48673560	-0.173093	0.999791

XLOC_009873	XLOC_009873	MTMR4	chr17:56566892-56595251	-0.173045	0.999791
XLOC_004415	XLOC_004415	GDPD5	chr11:75145684-75236599	-0.172962	0.999791
XLOC_002060	XLOC_002060	STX6	chr1:180942175-180992046	-0.172927	0.999791
XLOC_010364	XLOC_010364	ACAA2	chr18:47309873-47340251	-0.172845	0.999791
XLOC_021765	XLOC_021765	PTP4A3	chr8:142432006-142441620	-0.172579	0.999791
XLOC_004157	XLOC_004157	PHF21A	chr11:45950869-46142985	-0.172499	0.999791
XLOC_007308	XLOC_007308	MPI	chr15:75182409-75190565	-0.172476	0.999791
XLOC_023371	XLOC_023371	WAS	chrX:48542185-48549817	-0.172455	1
XLOC_023020	XLOC_023020	CDC26	chr9:116029289-116037869	-0.172445	0.999791
XLOC_013480	XLOC_013480	FAM110A	chr20:814355-826922	-0.172379	0.999791
XLOC_006411	XLOC_006411	ARG2	chr14:68086578-68141602	-0.172366	0.999791
XLOC_021308	XLOC_021308	TNPO3	chr7:128594233-128695227	-0.172338	0.999791
XLOC_004537	XLOC_004537	C11orf71	chr11:114262169-114271272	-0.172074	0.999791
XLOC_021021	XLOC_021021	VPS41	chr7:38763542-38948800	-0.171969	0.999791
XLOC_021134	XLOC_021134	TMEM60	chr7:77423044-77427747	-0.171958	0.999791
XLOC_018354	XLOC_018354	LRRC1	chr6:53659777-53788919	-0.171896	0.999791
XLOC_015832	XLOC_015832	CGGBP1	chr3:88101099-88207115	-0.171871	0.999791
XLOC_000515	XLOC_000515	FNBP1L	chr1:93913687-94020218	-0.171816	0.999791
XLOC_016990	XLOC_016990	GK3P	chr4:166128769-166244308	-0.171743	1
XLOC_009043	XLOC_009043	MSL1	chr17:38278789-38293045	-0.17129	0.999791
XLOC_006648	XLOC_006648	LINC00637	chr14:104314057-104324386	-0.171258	1
XLOC_004841	XLOC_004841	COX14	chr12:50505763-50514240	-0.171245	0.999791
XLOC_015315	XLOC_015315	ABTB1	chr3:127391780-127399769	-0.17112	0.999791
XLOC_008203	XLOC_008203	CYB5B	chr16:69458497-69500167	-0.171083	0.999791
XLOC_011078	XLOC_011078	ZNF613	chr19:52430687-52449011	-0.171066	0.999791
XLOC_001986	XLOC_001986	RGS5	chr1:163112088-163291581	-0.17077	0.999791
XLOC_009020	XLOC_009020	CISD3	chr17:36886509-36904558	-0.170765	0.999791
XLOC_014411	XLOC_014411	TBX1	chr22:19744225-19771112	-0.170736	0.999791
XLOC_002687	XLOC_002687	ADD3	chr10:111705316-111895323	-0.170471	0.999791
XLOC_000530	XLOC_000530	AGL	chr1:100315639-100389579	-0.170377	0.999791
XLOC_003534	XLOC_003534	TMEM132A	chr11:60691912-60719257	-0.170339	0.999791
XLOC_006832	XLOC_006832	C14orf37	chr14:58470807-58618847	-0.170263	0.999791
XLOC_009422	XLOC_009422	PFN1	chr17:4848944-4852381	-0.170257	0.999791
XLOC_016919	XLOC_016919	CCNA2	chr4:122722471-122745088	-0.170158	0.999791
XLOC_002873	XLOC_002873	ZNF438	chr10:31133564-31320866	-0.170086	0.999791
XLOC_002531	XLOC_002531	DLG5-AS1	chr10:79686569-79689583	-0.170075	0.999791
XLOC_004368	XLOC_004368	CHKA	chr11:67820325-67888858	-0.170035	0.999791
XLOC_004096	XLOC_004096	SERGEF	chr11:17809596-18034637	-0.169836	0.999791
XLOC_023912	XLOC_023912	OPHN1	chrX:67262185-67653299	-0.169834	0.999791
XLOC_020640	XLOC_020640	AP4M1	chr7:99690403-99723128	-0.169743	0.999791
XLOC_002393	XLOC_002393	MASTL	chr10:27443752-27475848	-0.169707	0.999791
XLOC_015530	XLOC_015530	MUC20	chr3:195447752-195464540	-0.169662	1
XLOC_010034	XLOC_010034	ACTG1	chr17:79476996-79479892	-0.169603	0.999791
XLOC_014647	XLOC_014647	NCAPH2	chr22:50946644-50968514	-0.169602	0.999791
XLOC_009279	XLOC_009279	NUP85	chr17:73201596-73231854	-0.169598	0.999791
XLOC_020720	XLOC_020720	FEZF1-AS1	chr7:121941447-121950131	-0.169443	0.999791
XLOC_014597	XLOC_014597	SEPT3	chr22:42372930-42394225	-0.169391	0.999791
XLOC_014090	XLOC_014090	SAMD10	chr20:62605465-62610995	-0.169304	0.999791
XLOC_006934	XLOC_006934	SMEK1	chr14:91923955-91976644	-0.169213	0.999791
XLOC_004144	XLOC_004144	COMMD9	chr11:36293841-36310999	-0.169189	0.999791
XLOC_020438	XLOC_020438	BBS9	chr7:33169151-33645680	-0.169178	0.999791
XLOC_005089	XLOC_005089	UBE3B	chr12:109915427-109974510	-0.169175	0.999791
XLOC_003288	XLOC_003288	TRIM22	chr11:5710816-5732093	-0.169031	1
XLOC_018812	XLOC_018812	TAPBP,ZBTB22	chr6:33267471-33285719	-0.168978	0.999791
XLOC_012994	XLOC_012994	PCGF1	chr2:74724643-74734821	-0.168955	0.999791
XLOC_022887	XLOC_022887	C9orf40	chr9:77561498-77567802	-0.16891	0.999791
XLOC_004330	XLOC_004330	CFL1	chr11:65622284-65625804	-0.168902	0.999791
XLOC_008515	XLOC_008515	TBC1D10B	chr16:30368421-30381522	-0.168758	0.999791
XLOC_014492	XLOC_014492	EMID1	chr22:29601900-29655586	-0.168709	0.999791
XLOC_012598	XLOC_012598	NBEAL1	chr2:203879601-204082717	-0.168688	1
XLOC_020370	XLOC_020370	LOC729852	chr7:7676574-7918851	-0.168584	0.999791
XLOC_005997	XLOC_005997	MCF2L	chr13:113623534-113754053	-0.168571	0.999791
XLOC_015720	XLOC_015720	GMPPB	chr3:49726949-49761384	-0.168496	0.999791
XLOC_020595	XLOC_020595	STEAP2	chr7:89840999-89866992	-0.16839	0.999791
XLOC_009348	XLOC_009348	LRRC45	chr17:79981279-79989027	-0.168354	0.999791
XLOC_013146	XLOC_013146	CCDC74B	chr2:130887195-130902707	-0.16827	0.999791
XLOC_022946	XLOC_022946	MIRLET7DHG	chr9:96938851-96966848	-0.168213	0.999791
XLOC_002203	XLOC_002203	TP53BP2	chr1:223967594-224033674	-0.168021	0.999791
XLOC_016540	XLOC_016540	TRIM2	chr4:154074269-154260474	-0.167909	0.999791
XLOC_001806	XLOC_001806	ARNT	chr1:150782180-150849244	-0.167908	0.999791
XLOC_004629	XLOC_004629	ZBTB44	chr11:130096573-130184607	-0.167895	0.999791
XLOC_002482	XLOC_002482	SIRT1	chr10:69644426-69678147	-0.167879	0.999791
XLOC_007817	XLOC_007817	ARHGDI3	chr16:330605-333003	-0.16777	0.999791
XLOC_012865	XLOC_012865	LOC100288911	chr2:36581891-36582713	-0.167752	0.999791
XLOC_014811	XLOC_014811	CARD10	chr22:37886399-37915210	-0.167571	0.999791
XLOC_017376	XLOC_017376	PCDHB8	chr5:140557370-140560081	-0.167469	0.999791
XLOC_011334	XLOC_011334	TICAM1	chr19:4815935-4831754	-0.167363	0.999791
XLOC_022669	XLOC_022669	KIAA1984	chr9:139690789-139735639	-0.167245	1
XLOC_020341	XLOC_020341	NUDT1	chr7:2281856-2290780	-0.167132	0.999791

XLOC_014081	XLOC_014081	HELZ2	chr20:62189438-62205592	-0.167123	0.999791
XLOC_008322	XLOC_008322	FBXL16	chr16:742499-755825	-0.167064	0.999791
XLOC_011756	XLOC_011756	OPA3	chr19:46031024-46088122	-0.167044	0.999791
XLOC_012128	XLOC_012128	YIPF4	chr2:32502957-32531658	-0.166958	0.999791
XLOC_017512	XLOC_017512	RGS14	chr5:176784843-176799599	-0.166885	0.999791
XLOC_005833	XLOC_005833	PAN3	chr13:28710979-28869475	-0.166809	0.999791
XLOC_012552	XLOC_012552	FAM171B	chr2:187558788-187628512	-0.166572	1
XLOC_015708	XLOC_015708	LAMB2	chr3:49158546-49170599	-0.166498	0.999791
XLOC_021513	XLOC_021513	R3HCC1	chr8:23145611-23153792	-0.16645	0.999791
XLOC_023483	XLOC_023483	SLC16A2	chrX:73641327-73753764	-0.166314	0.999791
XLOC_005265	XLOC_005265	SLC2A3	chr12:8071823-8088892	-0.166257	0.999791
XLOC_022859	XLOC_022859	AQP7P1	chr9:67270214-67289492	-0.166252	1
XLOC_004759	XLOC_004759	PLEKHA5	chr12:19282625-19529333	-0.166063	0.999791
XLOC_012088	XLOC_012088	CENPA	chr2:27008881-27017455	-0.166021	0.999791
XLOC_009652	XLOC_009652	PIP4K2B	chr17:36921943-36956158	-0.166	0.999791
XLOC_001074	XLOC_001074	DNAH14	chr1:225117355-225586996	-0.165833	0.999791
XLOC_006423	XLOC_006423	TTC9	chr14:71108503-71142077	-0.165803	0.999791
XLOC_013140	XLOC_013140	SAP130	chr2:128698790-128784869	-0.165787	0.999791
XLOC_022321	XLOC_022321	UBAP1	chr9:34179002-34329198	-0.165753	0.999791
XLOC_011284	XLOC_011284	REXO1	chr19:1815244-1848452	-0.165707	0.999791
XLOC_015981	XLOC_015981	NMNAT3	chr3:139279022-139396885	-0.165446	0.999791
XLOC_016485	XLOC_016485	USP53	chr4:120133781-120216673	-0.165357	0.999791
XLOC_013755	XLOC_013755	CDH4	chr20:59827481-60515673	-0.165314	1
XLOC_002136	XLOC_002136	PIK3C2B	chr1:204391757-204459474	-0.165289	0.999791
XLOC_001039	XLOC_001039	NENF	chr1:212606228-212619721	-0.165181	0.999791
XLOC_021205	XLOC_021205	TAF6	chr7:99690403-99723128	-0.165018	0.999791
XLOC_023804	XLOC_023804	TAB3	chrX:30845558-30907511	-0.164929	0.999791
XLOC_011355	XLOC_011355	SLC25A41	chr19:6426047-6433790	-0.164928	0.999791
XLOC_010803	XLOC_010803	APLP1	chr19:36359400-36370699	-0.164895	0.999791
XLOC_006505	XLOC_006505	IFI27L1	chr14:94547638-94569060	-0.16486	0.999791
XLOC_014443	XLOC_014443	PPIL2	chr22:22020272-22090071	-0.16485	0.999791
XLOC_008311	XLOC_008311	RHBDF1	chr16:108057-122629	-0.16483	0.999791
XLOC_022246	XLOC_022246	FOXH1	chr8:145691737-145701718	-0.164693	0.999791
XLOC_012353	XLOC_012353	NCK2	chr2:106361519-106510730	-0.164674	0.999791
XLOC_020895	XLOC_020895	C7orf50	chr7:1036622-1177893	-0.164672	0.999791
XLOC_010150	XLOC_010150	TTC39C	chr18:21572736-217115574	-0.16465	0.999791
XLOC_011585	XLOC_011585	SLC7A9	chr19:33321418-33360683	-0.164644	1
XLOC_022516	XLOC_022516	RGS3	chr9:116207008-116360023	-0.164638	0.999791
XLOC_011819	XLOC_011819	HSD17B14	chr19:49316273-49339934	-0.164607	0.999791
XLOC_010967	XLOC_010967	PRR24	chr19:47777658-47778980	-0.164573	0.999791
XLOC_017752	XLOC_017752	FLJ35946	chr5:98104998-98132198	-0.164527	1
XLOC_003940	XLOC_003940	HRAS	chr11:532241-535550	-0.164413	0.999791
XLOC_017714	XLOC_017714	MTX3	chr5:79272538-79287088	-0.164306	0.999791
XLOC_023350	XLOC_023350	CDK16	chrX:47077527-47089394	-0.164293	0.999791
XLOC_007696	XLOC_007696	MAN2C1	chr15:75648132-75660968	-0.164201	0.999791
XLOC_008494	XLOC_008494	RABEP2	chr16:28889808-28936532	-0.164185	0.999791
XLOC_017516	XLOC_017516	TMED9	chr5:177019212-177023099	-0.164029	0.999791
XLOC_013260	XLOC_013260	SESTD1	chr2:179966418-180129350	-0.163907	0.999791
XLOC_022294	XLOC_022294	DENND4C	chr9:19230762-19374137	-0.163894	0.999791
XLOC_011101	XLOC_011101	ZNF331	chr19:54024176-5403523	-0.163883	0.999791
XLOC_002291	XLOC_002291	ZNF496	chr1:247463621-247495045	-0.163866	0.999791
XLOC_018448	XLOC_018448	SLC16A10	chr6:111408780-111544606	-0.163855	0.999791
XLOC_009989	XLOC_009989	UBE2O	chr17:74385612-74449288	-0.163808	0.999791
XLOC_000322	XLOC_000322	PIIH	chr1:43124047-43142429	-0.163684	0.999791
XLOC_010027	XLOC_010027	ENTHD2	chr17:79202076-79212891	-0.163645	0.999791
XLOC_014557	XLOC_014557	MAFF	chr22:38597938-38612517	-0.163629	0.999791
XLOC_008591	XLOC_008591	CCDC102A	chr16:57546089-57570477	-0.163468	0.999791
XLOC_013181	XLOC_013181	NEB	chr2:152341852-152591001	-0.163464	1
XLOC_005229	XLOC_005229	PARP11	chr12:3918026-3982608	-0.163441	0.999791
XLOC_015984	XLOC_015984	XRN1	chr3:142025448-142166853	-0.163344	0.999791
XLOC_001484	XLOC_001484	RIMS3	chr1:41086351-41131324	-0.163165	0.999791
XLOC_022823	XLOC_022823	MSMP	chr9:35749276-35754274	-0.16315	0.999791
XLOC_004396	XLOC_004396	STARD10	chr11:72465773-72504750	-0.163115	0.999791
XLOC_024069	XLOC_024069	ELF4	chrX:129198894-129244688	-0.163111	0.999791
XLOC_022693	XLOC_022693	NELFB	chr9:140149758-140168000	-0.16296	0.999791
XLOC_003040	XLOC_003040	LIPA	chr10:90973325-91011660	-0.162907	0.999791
XLOC_015282	XLOC_015282	NDUFB4	chr3:120315127-120321258	-0.162822	0.999791
XLOC_020917	XLOC_020917	ACTB	chr7:5566778-5570232	-0.162712	0.999791
XLOC_009519	XLOC_009519	NCOR1	chr17:15933407-16118874	-0.162619	0.999791
XLOC_009342	XLOC_009342	SLC25A10	chr17:79679265-79688046	-0.162603	0.999791
XLOC_008969	XLOC_008969	RAB11FIP4	chr17:29718641-29865232	-0.162542	0.999791
XLOC_016559	XLOC_016559	RAPGEF2	chr4:160188997-160281301	-0.162524	0.999791
XLOC_013029	XLOC_013029	LOC285074	chr2:87257797-87303536	-0.162498	0.999791
XLOC_011769	XLOC_011769	MYPOP	chr19:46393280-46405862	-0.162444	0.999791
XLOC_008676	XLOC_008676	FA2H	chr16:74746855-74808729	-0.162403	0.999791
XLOC_012599	XLOC_012599	CYP20A1	chr2:204103163-204170563	-0.162385	0.999791
XLOC_015709	XLOC_015709	LAMB2P1	chr3:49190291-49191834	-0.16229	0.999791
XLOC_009930	XLOC_009930	C17orf58	chr17:65987216-65989765	-0.162275	0.999791
XLOC_007152	XLOC_007152	ZFYVE19	chr15:41060066-41106767	-0.162213	0.999791

XLOC_021162	XLOC_021162	SAMD9L	chr7:92759367-92777680	-0.162204	1
XLOC_011975	XLOC_011975	ZNF579	chr19:56088890-56092211	-0.162158	0.999791
XLOC_018363	XLOC_018363	ZNF451	chr6:56954807-57035098	-0.161868	0.999791
XLOC_008729	XLOC_008729	CBFA2T3	chr16:88941262-89043504	-0.16176	0.999791
XLOC_022247	XLOC_022247	RECQL4	chr8:145736666-145743210	-0.161703	0.999791
XLOC_006945	XLOC_006945	BTBD7	chr14:93703895-93799385	-0.161681	0.999791
XLOC_015327	XLOC_015327	H1FX-AS1	chr3:129033613-129043412	-0.161611	0.999791
XLOC_019144	XLOC_019144	ZBTB2	chr6:151685249-151712677	-0.161395	0.999791
XLOC_021083	XLOC_021083	ZNF680	chr7:63980254-64023505	-0.161378	0.999791
XLOC_017902	XLOC_017902	TNIP1	chr5:150409503-150467221	-0.161296	0.999791
XLOC_003861	XLOC_003861	HINFP	chr11:118992232-119005765	-0.16127	0.999791
XLOC_016128	XLOC_016128	ATP13A3	chr3:194123402-194188968	-0.161117	0.999791
XLOC_018819	XLOC_018819	LEMD2	chr6:33738989-33756906	-0.161126	0.999791
XLOC_000280	XLOC_000280	AGO4	chr1:36273827-36323490	-0.161083	0.999791
XLOC_009753	XLOC_009753	COA3	chr17:40949635-40950743	-0.160908	0.999791
XLOC_021053	XLOC_021053	SEPT7P2	chr7:45763385-45808617	-0.160885	0.999791
XLOC_001892	XLOC_001892	RUSC1-AS1	chr1:155278538-155300909	-0.160854	0.999791
XLOC_015510	XLOC_015510	FLJ42393	chr3:187868993-188608460	-0.160648	1
XLOC_008011	XLOC_008011	KDM8	chr16:27214806-27233089	-0.160584	0.999791
XLOC_006727	XLOC_006727	AP1G2_JPH4	chr14:23980968-24048009	-0.16045	0.999791
XLOC_022505	XLOC_022505	UGCG	chr9:114659205-114695433	-0.160353	0.999791
XLOC_014471	XLOC_014471	BCRP3	chr22:25028881-25055114	-0.160308	1
XLOC_004236	XLOC_004236	PATL1	chr1:59404191-59436511	-0.160291	0.999791
XLOC_005126	XLOC_005126	RFC5	chr12:118454505-118470042	-0.160287	0.999791
XLOC_012258	XLOC_012258	DOK1	chr2:74753774-74784678	-0.160252	0.999791
XLOC_006895	XLOC_006895	PROX2	chr14:75319735-75330537	-0.160085	1
XLOC_014548	XLOC_014548	TRIOBP	chr22:38092994-38172563	-0.160042	0.999791
XLOC_006654	XLOC_006654	INF2	chr14:105155942-105185947	-0.159793	0.999791
XLOC_008161	XLOC_008161	CMTM3	chr16:66637934-66647795	-0.159762	0.999791
XLOC_006027	XLOC_006027	ZDHHC20	chr13:21872263-22033508	-0.159736	0.999791
XLOC_011682	XLOC_011682	SERTAD3	chr19:40946747-40950282	-0.159734	0.999791
XLOC_004104	XLOC_004104	SPTY2D1	chr11:18621350-18656020	-0.159703	0.999791
XLOC_006666	XLOC_006666	CRIP2	chr14:105939274-105946507	-0.159702	0.999791
XLOC_022605	XLOC_022605	NTMT1	chr9:132388434-132404448	-0.159675	0.999791
XLOC_021001	XLOC_021001	DPY19L1P1	chr7:32535175-32758780	-0.159647	0.999791
XLOC_005321	XLOC_005321	DUSP16	chr12:12626215-127115448	-0.159586	0.999791
XLOC_001753	XLOC_001753	NOTCH2	chr1:120454175-120612317	-0.159574	0.999791
XLOC_012828	XLOC_012828	KIF3C	chr2:26149454-26205443	-0.159487	0.999791
XLOC_018687	XLOC_018687	HIST1H3F	chr6:26250369-26250835	-0.159374	0.999791
XLOC_015946	XLOC_015946	PLXND1	chr3:129274055-129325582	-0.159217	0.999791
XLOC_014223	XLOC_014223	COL6A1	chr21:47401662-47424963	-0.159112	0.999791
XLOC_022011	XLOC_022011	GGH	chr8:63927638-63951610	-0.159104	0.999791
XLOC_020655	XLOC_020655	GNB2	chr7:100271362-100276792	-0.159062	0.999791
XLOC_012409	XLOC_012409	EPB41L5	chr2:120770603-120936697	-0.158973	0.999791
XLOC_006359	XLOC_006359	CDKN3	chr14:54863672-54886934	-0.158928	0.999791
XLOC_023136	XLOC_023136	SURF4	chr9:136228339-136242970	-0.158909	0.999791
XLOC_018930	XLOC_018930	ICK	chr6:52866097-52926600	-0.158846	0.999791
XLOC_007168	XLOC_007168	CAPN3	chr15:42651697-42704515	-0.158808	0.999791
XLOC_018320	XLOC_018320	LOC100132354	chr6:43858764-43905944	-0.158691	1
XLOC_016953	XLOC_016953	ZNF827	chr4:146681887-146859607	-0.158656	1
XLOC_003623	XLOC_003623	SIPA1	chr1:165405577-65418391	-0.158652	0.999791
XLOC_014464	XLOC_014464	SUSD2	chr22:24577443-24585074	-0.158625	1
XLOC_000442	XLOC_000442	PDE4B	chr1:66258192-66840262	-0.158612	0.999791
XLOC_013382	XLOC_013382	CHPF	chr2:220403668-220408487	-0.15856	0.999791
XLOC_007408	XLOC_007408	MAN2A2	chr15:91447419-91465815	-0.1585	0.999791
XLOC_015593	XLOC_015593	METTL6	chr3:15451376-15469042	-0.158457	0.999791
XLOC_008468	XLOC_008468	CDR2	chr16:22357256-22385938	-0.158323	0.999791
XLOC_016267	XLOC_016267	C4orf52	chr4:25915813-25931501	-0.158223	0.999791
XLOC_024097	XLOC_024097	FAM122B	chrX:133903595-133988641	-0.158209	0.999791
XLOC_000052	XLOC_000052	KCNAB2	chr1:5922869-6161253	-0.158203	0.999791
XLOC_020551	XLOC_020551	GTF2IRD1	chr7:73868119-74016920	-0.158078	0.999791
XLOC_001915	XLOC_001915	CRABP2	chr1:156669399-156675608	-0.158052	0.999791
XLOC_001272	XLOC_001272	DHRS3	chr1:12627938-12677820	-0.158051	1
XLOC_015654	XLOC_015654	ANO10	chr3:43407817-43663560	-0.158032	0.999791
XLOC_012246	XLOC_012246	ACTG2	chr2:74120092-74146780	-0.158028	1
XLOC_014904	XLOC_014904	MAPK11	chr22:50702141-50708779	-0.157849	0.999791
XLOC_004425	XLOC_004425	RSF1	chr11:77377273-77531880	-0.157671	0.999791
XLOC_013610	XLOC_013610	ZNF341	chr20:32319807-32380075	-0.157601	0.999791
XLOC_005847	XLOC_005847	PDS5B	chr13:33160563-33352158	-0.157443	0.999791
XLOC_005195	XLOC_005195	ULK1	chr12:132379278-132407707	-0.157366	0.999791
XLOC_004451	XLOC_004451	CTSC	chr11:88026759-88070941	-0.157354	0.999791
XLOC_014433	XLOC_014433	BCRP2	chr22:21457304-21476575	-0.157323	0.999791
XLOC_017274	XLOC_017274	COMMD10	chr5:115420726-115628978	-0.157321	0.999791
XLOC_015334	XLOC_015334	COL6A4P2	chr3:129931662-129992649	-0.157229	1
XLOC_009970	XLOC_009970	CASKIN2	chr17:73452663-73511627	-0.157202	0.999791
XLOC_014930	XLOC_014930	SETD5	chr3:9439402-9519838	-0.157155	0.999791
XLOC_020802	XLOC_020802	EPHB6	chr7:142552791-142568847	-0.157153	1
XLOC_005159	XLOC_005159	KNTC1	chr12:123011808-123110947	-0.157033	0.999791
XLOC_010949	XLOC_010949	QPCTL	chr19:46195740-46207248	-0.156786	0.999791

XLOC_008170	XLOC_008170	NOL3	chr16:67204399-67217883	-0.156711	0.999791
XLOC_008634	XLOC_008634	LCAT,SLC12A4	chr16:67973786-68002597	-0.156689	0.999791
XLOC_008964	XLOC_008964	ATAD5	chr17:29159022-29222295	-0.1566	0.999791
XLOC_001521	XLOC_001521	PIK3R3	chr1:46505811-46598708	-0.156599	0.999791
XLOC_010037	XLOC_010037	PDE6G	chr17:79617488-79623607	-0.156493	1
XLOC_005142	XLOC_005142	MLEC	chr12:121124948-121139667	-0.156451	0.999791
XLOC_002120	XLOC_002120	CYB5R1	chr1:202931000-202936404	-0.156435	0.999791
XLOC_016978	XLOC_016978	C4orf46	chr4:159587830-159593202	-0.156397	0.999791
XLOC_008846	XLOC_008846	RANGRF	chr17:8191081-8198170	-0.156293	0.999791
XLOC_009964	XLOC_009964	HN1	chr17:73131343-73150775	-0.156275	0.999791
XLOC_022908	XLOC_022908	C9orf153	chr9:88835179-88874572	-0.15626	1
XLOC_000558	XLOC_000558	TMEM167B	chr1:109633402-109639554	-0.156184	0.999791
XLOC_000557	XLOC_000557	GPSM2	chr1:109419602-109506111	-0.156127	0.999791
XLOC_016262	XLOC_016262	LOC285540	chr4:25162293-25200127	-0.156051	1
XLOC_018064	XLOC_018064	MYLIP	chr6:16129316-16148478	-0.155993	0.999791
XLOC_007145	XLOC_007145	BAHD1	chr15:40733410-40760441	-0.155916	0.999791
XLOC_022799	XLOC_022799	ENHO	chr9:34521039-34523037	-0.155909	0.999791
XLOC_011680	XLOC_011680	PRX	chr19:40899670-40919271	-0.155762	0.999791
XLOC_017939	XLOC_017939	NUDCD2	chr5:162880585-162887143	-0.155758	0.999791
XLOC_000195	XLOC_000195	MTFR1L	chr1:26146396-26159433	-0.155642	0.999791
XLOC_022849	XLOC_022849	MGC21881	chr9:41952398-41955076	-0.155601	0.999791
XLOC_008121	XLOC_008121	MT1M	chr16:56666533-56667898	-0.155562	0.999791
XLOC_010496	XLOC_010496	CCDC94	chr19:4247110-4269085	-0.155537	0.999791
XLOC_015311	XLOC_015311	CHCHD6	chr3:126423062-126679263	-0.155306	0.999791
XLOC_006306	XLOC_006306	KHNYN	chr14:24899140-24912007	-0.155256	0.999791
XLOC_012320	XLOC_012320	COX5B	chr2:98262520-98264657	-0.155252	0.999791
XLOC_018385	XLOC_018385	IRAK1BP1	chr6:79577188-79608320	-0.15517	0.999791
XLOC_022333	XLOC_022333	TESK1	chr9:35605280-35618424	-0.155147	0.999791
XLOC_001076	XLOC_001076	EPHX1	chr1:225997796-226070420	-0.155098	0.999791
XLOC_004734	XLOC_004734	LOH12CR1	chr12:12510019-12619838	-0.154957	0.999791
XLOC_005000	XLOC_005000	ZDHHC17	chr12:77157853-77247474	-0.154942	0.999791
XLOC_002439	XLOC_002439	FAM35DP	chr10:47379719-47421238	-0.154941	1
XLOC_011398	XLOC_011398	ZNF699	chr19:9405985-9415795	-0.154907	1
XLOC_009899	XLOC_009899	LIMD2	chr17:61699800-61777519	-0.15483	0.999791
XLOC_009344	XLOC_009344	ANAPC11	chr17:79849598-79858363	-0.154807	0.999791
XLOC_002787	XLOC_002787	ID1I	chr10:1064846-1095061	-0.15474	0.999791
XLOC_004621	XLOC_004621	ETS1	chr11:128328655-128457453	-0.154691	0.999791
XLOC_008300	XLOC_008300	CDK10	chr16:89753075-89768121	-0.154687	0.999791
XLOC_005817	XLOC_005817	ATP12A	chr13:25254548-25285923	-0.154644	1
XLOC_014907	XLOC_014907	SBF1	chr22:50781745-50913464	-0.154539	0.999791
XLOC_013691	XLOC_013691	SNX21	chr20:44462469-44486048	-0.154354	0.999791
XLOC_003116	XLOC_003116	ARL3	chr10:104433483-104474190	-0.154321	0.999791
XLOC_022582	XLOC_022582	DNM1	chr9:130928343-131017527	-0.154292	0.999791
XLOC_002646	XLOC_002646	SEMA4G	chr10:102732285-102747272	-0.154282	0.999791
XLOC_001322	XLOC_001322	CAPZB	chr1:19665266-19812066	-0.154279	0.999791
XLOC_016461	XLOC_016461	OSTC	chr4:109571740-109588978	-0.154278	0.999791
XLOC_009527	XLOC_009527	FLCN	chr17:17115526-17140502	-0.154217	0.999791
XLOC_016529	XLOC_016529	TMEM184C	chr4:148538538-148556672	-0.154188	0.999791
XLOC_017240	XLOC_017240	RFESD	chr5:94982480-94992849	-0.154115	0.999791
XLOC_011486	XLOC_011486	DNAJB1	chr19:14625581-14629201	-0.1541	0.999791
XLOC_020850	XLOC_020850	ZNF775	chr7:150076405-150095719	-0.154074	0.999791
XLOC_001293	XLOC_001293	ZBTB17	chr1:16268363-16302627	-0.153723	0.999791
XLOC_008069	XLOC_008069	BCKDK	chr16:31119614-31124112	-0.153703	0.999791
XLOC_005600	XLOC_005600	PPP1R12A	chr12:80167342-80329235	-0.153676	0.999791
XLOC_022449	XLOC_022449	ZNF169	chr9:97021577-97065291	-0.153629	0.999791
XLOC_022065	XLOC_022065	SNX16	chr8:82711817-82754521	-0.153458	0.999791
XLOC_012662	XLOC_012662	DNAJB2	chr2:220144039-220115622	-0.153352	0.999791
XLOC_012657	XLOC_012657	FAM134A	chr2:220042938-220050197	-0.153332	0.999791
XLOC_006431	XLOC_006431	PSEN1	chr14:73603142-73690399	-0.153254	0.999791
XLOC_022332	XLOC_022332	RUSC2	chr9:35490006-35563896	-0.153142	0.999791
XLOC_006000	XLOC_006000	PROZ	chr13:113812967-113826698	-0.153136	1
XLOC_015583	XLOC_015583	NUP210	chr3:13357736-13461809	-0.153108	0.999791
XLOC_017440	XLOC_017440	MRPL22	chr5:154320632-154348971	-0.153037	0.999791
XLOC_006809	XLOC_006809	FRMD6-AS1	chr14:51921229-52197444	-0.152929	1
XLOC_023625	XLOC_023625	ZNF449	chrX:134478695-134497338	-0.152864	0.999791
XLOC_009807	XLOC_009807	PRR15L	chr17:46029333-46035243	-0.152859	1
XLOC_014724	XLOC_014724	GSTT1	chr22:24376138-24384284	-0.152816	0.999791
XLOC_010445	XLOC_010445	GPX4	chr19:1103935-1106787	-0.152671	0.999791
XLOC_001559	XLOC_001559	YIPF1	chr1:54317391-54355487	-0.152555	0.999791
XLOC_001139	XLOC_001139	DES12	chr1:244816351-244872334	-0.152546	0.999791
XLOC_000071	XLOC_000071	PIK3CD	chr1:9711789-9884550	-0.152478	0.999791
XLOC_012867	XLOC_012867	STRN	chr2:37064840-37193615	-0.152397	0.999791
XLOC_013956	XLOC_013956	RBL1	chr20:35626177-35724410	-0.152379	0.999791
XLOC_021596	XLOC_021596	CHCHD7	chr8:57124314-57131176	-0.152339	0.999791
XLOC_013633	XLOC_013633	DLGAP4	chr20:34995443-35157040	-0.152224	0.999791
XLOC_007598	XLOC_007598	NEDD4	chr15:56119121-56285835	-0.152183	0.999791
XLOC_023083	XLOC_023083	TOR2A	chr9:130478357-130497628	-0.152073	0.999791
XLOC_020454	XLOC_020454	LINC00265	chr7:39773166-39834222	-0.151993	0.999791
XLOC_021423	XLOC_021423	ESYT2	chr7:158523688-158622319	-0.151948	0.999791

XLOC_015425	XLOC_015425	IL12A	chr3:159706622-159713806	-0.151936	0.999791
XLOC_006926	XLOC_006926	EMLS	chr14:89081173-89259096	-0.151888	1
XLOC_011187	XLOC_011187	ZNF628	chr19:55987698-55995854	-0.151883	0.999791
XLOC_019101	XLOC_019101	MAP7	chr6:136663418-136871957	-0.151709	0.999791
XLOC_005705	XLOC_005705	MAPKAPK5-AS1	chr12:112277572-112331228	-0.151558	0.999791
XLOC_018814	XLOC_018814	CUTA	chr6:33384318-33386065	-0.151538	0.999791
XLOC_017255	XLOC_017255	MAN2A1	chr5:109025155-109203429	-0.151515	0.999791
XLOC_012146	XLOC_012146	GEMIN6	chr2:39005326-39009106	-0.151445	0.999791
XLOC_007656	XLOC_007656	CALML4	chr15:68483042-68498448	-0.151418	0.999791
XLOC_003218	XLOC_003218	ATHL1	chr11:289137-295688	-0.15137	0.999791
XLOC_022055	XLOC_022055	TPD52	chr8:80947104-81083836	-0.15131	0.999791
XLOC_021282	XLOC_021282	AASS	chr7:121713597-121784344	-0.151233	0.999791
XLOC_007440	XLOC_007440	WASH3P	chr15:102501015-102519296	-0.151131	0.999791
XLOC_013441	XLOC_013441	PER2	chr2:239152678-239197207	-0.151012	0.999791
XLOC_005361	XLOC_005361	ITPR2	chr12:26488284-26986131	-0.150985	0.999791
XLOC_023978	XLOC_023978	TIMM8A	chrX:100600643-100603957	-0.150811	0.999791
XLOC_009316	XLOC_009316	BIRC5	chr17:76210276-76221716	-0.150765	0.999791
XLOC_010430	XLOC_010430	C19orf21	chr19:751145-764318	-0.150584	0.999791
XLOC_011615	XLOC_011615	CLIP3	chr19:36505561-36523797	-0.15054	1
XLOC_023446	XLOC_023446	EFNB1	chrX:68048839-68062006	-0.150436	0.999791
XLOC_021351	XLOC_021351	NDUFB2-AS1	chr7:140395135-140406446	-0.150321	0.999791
XLOC_004832	XLOC_004832	PRPF40B	chr12:50017196-50101197	-0.150234	0.999791
XLOC_014424	XLOC_014424	TMEM191A	chr22:21055401-21058891	-0.150203	0.999791
XLOC_004689	XLOC_004689	ENO2	chr12:7023613-7032859	-0.150156	0.999791
XLOC_012442	XLOC_012442	C2orf27A	chr2:132480063-132524977	-0.150139	1
XLOC_007901	XLOC_007901	THOC6	chr16:3072625-3077756	-0.15007	0.999791
XLOC_022835	XLOC_022835	ZBTB5	chr9:37438099-37465407	-0.149965	0.999791
XLOC_010603	XLOC_010603	ZNF439	chr19:11976843-11980306	-0.149878	0.999791
XLOC_004736	XLOC_004736	CDKN1B	chr12:12870301-12875305	-0.14974	0.999791
XLOC_019138	XLOC_019138	LRP11	chr6:150139893-150244214	-0.149503	0.999791
XLOC_002350	XLOC_002350	OPTN	chr10:13142081-13180276	-0.149489	0.999791
XLOC_008791	XLOC_008791	MIS12	chr17:5389693-5394130	-0.149432	0.999791
XLOC_000185	XLOC_000185	RCAN3	chr1:24822822-24863510	-0.149413	0.999791
XLOC_011325	XLOC_011325	STAP2	chr19:4324039-4338847	-0.149382	0.999791
XLOC_018020	XLOC_018020	IRF4	chr6:391738-411443	-0.1493	1
XLOC_000670	XLOC_000670	PLEKHO1	chr1:150122169-150131825	-0.149255	0.999791
XLOC_010497	XLOC_010497	SHD	chr19:4278597-4290720	-0.149185	0.999791
XLOC_015739	XLOC_015739	C3orf18	chr3:50595455-50622421	-0.149174	0.999791
XLOC_002448	XLOC_002448	GLUD1P7	chr10:48954404-48958083	-0.149173	1
XLOC_002752	XLOC_002752	C10orf137	chr10:127408083-127452712	-0.149172	0.999791
XLOC_003313	XLOC_003313	PPFIBP2	chr11:7534995-7674996	-0.149087	0.999791
XLOC_014975	XLOC_014975	PLCL2	chr3:16926451-17132098	-0.148907	0.999791
XLOC_018612	XLOC_018612	GMDS	chr6:1624034-2245868	-0.148888	0.999791
XLOC_004673	XLOC_004673	TAPBPL	chr12:6561176-6579843	-0.148736	0.999791
XLOC_009992	XLOC_009992	ST6GALNAC2	chr17:74561460-74582145	-0.148711	1
XLOC_000436	XLOC_000436	CACHD1	chr1:64936475-65158741	-0.148485	0.999791
XLOC_014556	XLOC_014556	PICK1	chr22:38453261-38471708	-0.148457	0.999791
XLOC_015726	XLOC_015726	MST1R	chr3:49924435-49941306	-0.148434	0.999791
XLOC_009836	XLOC_009836	FAM117A	chr17:47787686-47841518	-0.148385	0.999791
XLOC_022004	XLOC_022004	IMPAD1	chr8:57870487-57906430	-0.148347	0.999791
XLOC_001797	XLOC_001797	QTUD7B	chr1:149912231-149982686	-0.148308	0.999791
XLOC_013517	XLOC_013517	CDS2	chr20:5107406-51178533	-0.148261	0.999791
XLOC_004627	XLOC_004627	NFRKB	chr11:129733669-129765490	-0.14812	0.999791
XLOC_018585	XLOC_018585	IGF2R	chr6:160390130-160527583	-0.148061	0.999791
XLOC_021558	XLOC_021558	HTRA4	chr8:38831667-38846181	-0.148036	1
XLOC_006012	XLOC_006012	ANKRD20A9P	chr13:19408542-19446109	-0.147985	1
XLOC_022149	XLOC_022149	SAMD12	chr8:119201694-119738306	-0.14791	0.999791
XLOC_021547	XLOC_021547	ZNF703	chr8:37553300-37556396	-0.147896	0.999791
XLOC_003713	XLOC_003713	SPCS2	chr11:74660291-74690076	-0.147889	0.999791
XLOC_015886	XLOC_015886	B4GALT4	chr3:118930588-118959752	-0.147883	0.999791
XLOC_022144	XLOC_022144	TRPS1	chr8:116420723-116681228	-0.147627	0.999791
XLOC_000611	XLOC_000611	MAB21L3	chr1:116654375-116677861	-0.14753	1
XLOC_014702	XLOC_014702	YPEL1	chr22:22020272-22090071	-0.147406	0.999791
XLOC_014625	XLOC_014625	MIR4763,MIRLET7A3,MIRLET7B	chr22:46481876-46509808	-0.147396	0.999791
XLOC_007246	XLOC_007246	FBXL22	chr15:63796709-63894620	-0.147392	1
XLOC_008946	XLOC_008946	TRAF4	chr17:27071022-27077976	-0.147371	0.999791
XLOC_010908	XLOC_010908	ZNF283	chr19:44331472-44353050	-0.147361	0.999791
XLOC_009461	XLOC_009461	PLSCR3,TMEM256	chr17:7284292-7307450	-0.147304	0.999791
XLOC_003419	XLOC_003419	EXT2	chr1:144117098-44266980	-0.14721	0.999791
XLOC_003959	XLOC_003959	KRTAP5-1	chr11:1490684-1785501	-0.146891	1
XLOC_000454	XLOC_000454	HHLA3	chr1:70820492-70833705	-0.146859	0.999791
XLOC_012723	XLOC_012723	SH3BP4	chr2:235860627-235964358	-0.146712	0.999791
XLOC_011850	XLOC_011850	SIGLEC11	chr19:50452249-50464429	-0.146698	1
XLOC_011296	XLOC_011296	LINGO3	chr19:2289773-2308156	-0.146668	1
XLOC_016739	XLOC_016739	SGCB	chr4:52886860-52904485	-0.146666	0.999791
XLOC_012744	XLOC_012744	RNPEPL1	chr2:241508003-241518149	-0.146625	0.999791
XLOC_018138	XLOC_018138	ZSCAN16	chr6:28092386-28097856	-0.146522	0.999791
XLOC_023771	XLOC_023771	AP1S2	chrX:15843928-15873137	-0.14648	0.999791
XLOC_006226	XLOC_006226	TUBGCP3	chr13:113139327-113242481	-0.146466	0.999791

XLOC_012861	XLOC_012861	DPY30	chr2:32248971-32264844	-0.146435	0.999791
XLOC_005379	XLOC_005379	PKP2	chr12:32943679-33049780	-0.146355	0.999791
XLOC_001502	XLOC_001502	HY1	chr1:43855555-43919918	-0.146155	0.999791
XLOC_002226	XLOC_002226	C1orf145	chr1:228391206-228566575	-0.146147	0.999791
XLOC_005050	XLOC_005050	SCYL2	chr12:100661548-100733914	-0.146138	0.999791
XLOC_002459	XLOC_002459	FAM21A,FAM21B	chr10:51827683-51893269	-0.146082	0.999791
XLOC_010553	XLOC_010553	RAB11B	chr19:8439259-8469317	-0.146047	0.999791
XLOC_021644	XLOC_021644	ZFHx4	chr8:77523113-77779521	-0.145991	1
XLOC_018845	XLOC_018845	TMEM217	chr6:37179953-37300746	-0.145976	1
XLOC_023877	XLOC_023877	KDM5C	chrX:53220502-53254604	-0.145959	0.999791
XLOC_020897	XLOC_020897	ZFAND2A	chr7:1192542-1199855	-0.1459	0.999791
XLOC_018946	XLOC_018946	LMBRD1	chr6:70385640-70507049	-0.14586	0.999791
XLOC_011544	XLOC_011544	SUGP2	chr19:19101696-19144380	-0.145851	0.999791
XLOC_005985	XLOC_005985	ABHD13	chr13:108870762-108886603	-0.145843	0.999791
XLOC_010972	XLOC_010972	GLTSCR1	chr19:48111452-48206534	-0.145831	0.999791
XLOC_005554	XLOC_005554	CTDSP2	chr12:58213709-58240747	-0.14547	0.999791
XLOC_012015	XLOC_012015	MZF1	chr19:59070552-59086164	-0.145457	0.999791
XLOC_004959	XLOC_004959	MON2	chr12:62860596-62991363	-0.145386	0.999791
XLOC_009924	XLOC_009924	GNA13	chr17:63005406-63052920	-0.145144	0.999791
XLOC_017486	XLOC_017486	SNORA74B	chr5:172410762-172461900	-0.145134	0.999791
XLOC_018547	XLOC_018547	TAB2	chr6:149639435-149732747	-0.145104	0.999791
XLOC_009806	XLOC_009806	SP6	chr17:45922279-45933240	-0.145087	0.999791
XLOC_005374	XLOC_005374	DENND5B	chr12:31535156-31768285	-0.145061	0.999791
XLOC_014576	XLOC_014576	LOC100130899	chr22:40428335-40432581	-0.145059	0.999791
XLOC_000774	XLOC_000774	TMEM79	chr1:156252703-156262234	-0.144962	0.999791
XLOC_014694	XLOC_014694	PI4KA	chr22:21061978-21213100	-0.144877	0.999791
XLOC_021917	XLOC_021917	STC1	chr8:23699433-23712320	-0.144759	1
XLOC_023182	XLOC_023182	ABCA2	chr9:139901685-139931234	-0.144724	0.999791
XLOC_018840	XLOC_018840	STK38	chr6:36461668-36515247	-0.144698	0.999791
XLOC_008768	XLOC_008768	GS2	chr17:3617918-3704537	-0.144683	0.999791
XLOC_015238	XLOC_015238	ALCAM	chr3:105085556-105295757	-0.144469	0.999791
XLOC_014861	XLOC_014861	TCF20	chr22:42556018-42611445	-0.144385	0.999791
XLOC_006525	XLOC_006525	CCNK	chr14:99947738-100070727	-0.144266	0.999791
XLOC_018711	XLOC_018711	ZSCAN31	chr6:28292514-28304152	-0.144232	0.999791
XLOC_000301	XLOC_000301	PPIE	chr1:40204516-40254533	-0.144137	0.999791
XLOC_004653	XLOC_004653	LOC100507424	chr12:2945981-2998691	-0.144099	0.999791
XLOC_023253	XLOC_023253	SHROOM2	chrX:9754495-9917481	-0.144089	0.999791
XLOC_006899	XLOC_006899	ACYP1	chr14:75519927-75530736	-0.143976	0.999791
XLOC_015913	XLOC_015913	ITGB5	chr3:124481794-124606144	-0.143934	0.999791
XLOC_001365	XLOC_001365	C1orf63	chr1:25568739-25573985	-0.143916	0.999791
XLOC_020579	XLOC_020579	PHTF2	chr7:77428108-77586821	-0.14383	0.999791
XLOC_015456	XLOC_015456	ZNF639	chr3:179041550-179053320	-0.143772	0.999791
XLOC_005751	XLOC_005751	KDM2B	chr12:121866899-122018920	-0.143638	0.999791
XLOC_014539	XLOC_014539	MPST	chr22:37406899-37425863	-0.143568	0.999791
XLOC_021233	XLOC_021233	ALKBH4	chr7:102073976-102105321	-0.143532	0.999791
XLOC_013241	XLOC_013241	ATF2	chr2:175936977-176032934	-0.143321	0.999791
XLOC_008244	XLOC_008244	CENPN	chr16:81009698-81066709	-0.143299	0.999791
XLOC_015178	XLOC_015178	SLC25A26	chr3:66119284-66550845	-0.143286	0.999791
XLOC_017804	XLOC_017804	AFF4	chr5:132211070-132299354	-0.143214	0.999791
XLOC_004714	XLOC_004714	KLRG1	chr12:9142220-9163340	-0.143184	1
XLOC_020393	XLOC_020393	KLHL7	chr7:23145352-23215038	-0.143179	0.999791
XLOC_015925	XLOC_015925	KLF15	chr3:126061477-126076236	-0.143162	0.999791
XLOC_015095	XLOC_015095	TMA7	chr3:48481685-48485537	-0.143055	0.999791
XLOC_017815	XLOC_017815	PITX1	chr5:134363423-134369964	-0.143042	0.999791
XLOC_004718	XLOC_004718	LOC374443	chr12:9769879-9811010	-0.142947	0.999791
XLOC_004477	XLOC_004477	FAM76B	chr11:95502105-95522954	-0.14292	0.999791
XLOC_001697	XLOC_001697	GSTM3	chr1:110276553-110283660	-0.142894	0.999791
XLOC_006379	XLOC_006379	DAAM1	chr14:59655380-59838123	-0.142841	0.999791
XLOC_007626	XLOC_007626	OAZ2	chr15:64979772-64995462	-0.142796	0.999791
XLOC_022684	XLOC_022684	MAN1B1	chr9:139981378-140003639	-0.142762	0.999791
XLOC_007370	XLOC_007370	LOC440300	chr15:84860599-84898920	-0.142749	1
XLOC_000426	XLOC_000426	USP1	chr1:62901974-62917475	-0.142718	0.999791
XLOC_005741	XLOC_005741	SRSF9	chr12:120884240-120907558	-0.14271	0.999791
XLOC_007764	XLOC_007764	DET1	chr15:89055713-89089912	-0.142584	0.999791
XLOC_012882	XLOC_012882	MAP4K3	chr2:39476406-39664453	-0.142575	0.999791
XLOC_017903	XLOC_017903	ANXA6	chr5:150480266-150537443	-0.142559	0.999791
XLOC_010250	XLOC_010250	TSHZ1	chr18:72922709-73001905	-0.142529	0.999791
XLOC_018172	XLOC_018172	ABCF1	chr6:30539169-30559309	-0.142431	0.999791
XLOC_004354	XLOC_004354	PTPRCAP	chr11:67202980-67205153	-0.142385	0.999791
XLOC_008617	XLOC_008617	KIAA0895L	chr16:67204399-67217883	-0.142181	0.999791
XLOC_003740	XLOC_003740	TMEM126A	chr11:85358962-85367597	-0.142147	0.999791
XLOC_018549	XLOC_018549	GINM1	chr6:149887527-149912067	-0.142134	0.999791
XLOC_011196	XLOC_011196	EPN1	chr19:56186560-56207133	-0.142066	0.999791
XLOC_015707	XLOC_015707	USP19	chr3:49145478-49158371	-0.142034	0.999791
XLOC_000648	XLOC_000648	HYDIN2	chr1:146310551-146334210	-0.14203	1
XLOC_024212	XLOC_024212	TMLHE	chrX:154696200-154842622	-0.141955	0.999791
XLOC_010313	XLOC_010313	KCTD1	chr18:24034873-24237365	-0.141833	0.999791
XLOC_010864	XLOC_010864	PLD3	chr19:40826966-40884390	-0.141812	0.999791
XLOC_016480	XLOC_016480	SNORA24	chr4:119199916-119200978	-0.141791	0.999791

XLOC_014682	XLOC_014682	TXNRD2	chr22:19863039-20004309	-0.141671	0.999791
XLOC_003847	XLOC_003847	MLL	chr11:118307204-118397539	-0.141629	0.999791
XLOC_012199	XLOC_012199	COMMD1	chr2:62132802-62363205	-0.141603	0.999791
XLOC_008341	XLOC_008341	SPSB3	chr16:1826712-1832581	-0.141581	0.999791
XLOC_004829	XLOC_004829	SPATS2	chr12:49760687-49921207	-0.141475	0.999791
XLOC_002260	XLOC_002260	LYST	chr1:235824344-236030220	-0.141411	1
XLOC_005072	XLOC_005072	C12orf75	chr12:105724413-105765296	-0.141397	0.999791
XLOC_021512	XLOC_021512	CHMP7	chr8:23101149-23119512	-0.141226	0.999791
XLOC_003090	XLOC_003090	ERLIN1	chr10:101909846-101945814	-0.141224	0.999791
XLOC_021270	XLOC_021270	C7orf60	chr7:112459201-112579932	-0.141206	0.999791
XLOC_008190	XLOC_008190	NFATC3	chr16:68119268-68270136	-0.141188	0.999791
XLOC_001714	XLOC_001714	FAM212B	chr1:112264685-112310199	-0.141095	0.999791
XLOC_017032	XLOC_017032	UFSP2	chr4:186317839-186347139	-0.141057	0.999791
XLOC_005964	XLOC_005964	FARP1	chr13:98795433-99102023	-0.140891	0.999791
XLOC_003563	XLOC_003563	C11orf83	chr11:62430288-62441162	-0.140579	0.999791
XLOC_004034	XLOC_004034	TRIM3	chr11:6469842-6495689	-0.140471	0.999791
XLOC_005338	XLOC_005338	EPS8	chr12:15773074-15942510	-0.14045	0.999791
XLOC_000906	XLOC_000906	TOR3A	chr1:179051111-179065129	-0.140332	0.999791
XLOC_013375	XLOC_013375	ATG9A	chr2:220084101-220094361	-0.140262	0.999791
XLOC_004138	XLOC_004138	LMO2	chr11:33880122-33913836	-0.14019	0.999791
XLOC_008184	XLOC_008184	THAP11	chr16:67862059-67905219	-0.14019	0.999791
XLOC_000634	XLOC_000634	NOTCH2NL	chr1:145209110-145285912	-0.140126	0.999791
XLOC_003866	XLOC_003866	RNF26	chr11:119205209-119208024	-0.139926	0.999791
XLOC_008151	XLOC_008151	MMP15	chr16:58059281-58080804	-0.139921	0.999791
XLOC_008390	XLOC_008390	CREBBP	chr16:3775055-3930121	-0.139884	0.999791
XLOC_003836	XLOC_003836	SIDT2	chr11:117049938-117075508	-0.139816	0.999791
XLOC_015783	XLOC_015783	HESX1	chr3:57231943-57234280	-0.139778	0.999791
XLOC_004410	XLOC_004410	XRRA1	chr11:74459912-74660232	-0.139559	0.999791
XLOC_021279	XLOC_021279	CTTNBP2	chr7:117350705-117513561	-0.139552	0.999791
XLOC_011157	XLOC_011157	NDUFA3	chr19:54606159-54610281	-0.13953	0.999791
XLOC_000584	XLOC_000584	CEPT1	chr11:11659953-111727724	-0.139516	0.999791
XLOC_018230	XLOC_018230	LOC100294145	chr6:32861952-32871535	-0.139483	0.999791
XLOC_016875	XLOC_016875	CENPE	chr4:104026962-104119566	-0.139472	0.999791
XLOC_008874	XLOC_008874	PIGL	chr17:16120508-16229573	-0.139434	0.999791
XLOC_013891	XLOC_013891	CST3	chr20:23614293-23618574	-0.139412	0.999791
XLOC_005028	XLOC_005028	LOC144486	chr12:94853778-94856344	-0.139244	1
XLOC_023782	XLOC_023782	CXorf23	chrX:19930979-19988382	-0.139139	0.999791
XLOC_013019	XLOC_013019	ST3GAL5	chr2:86066270-86116157	-0.139093	0.999791
XLOC_014744	XLOC_014744	CHEK2	chr22:29083730-29137822	-0.139084	0.999791
XLOC_022558	XLOC_022558	WDR38	chr9:127615695-127624240	-0.139069	1
XLOC_002311	XLOC_002311	ZNF692	chr1:249144202-249153315	-0.138907	0.999791
XLOC_017502	XLOC_017502	HIGD2A	chr5:175815783-175816751	-0.138848	0.999791
XLOC_002286	XLOC_002286	ZNF670,ZNF695	chr1:247108848-247242115	-0.138807	0.999791
XLOC_010626	XLOC_010626	C19orf53	chr19:13885256-13889586	-0.138791	0.999791
XLOC_005113	XLOC_005113	OAS3	chr12:113376248-1134111054	-0.13878	0.999791
XLOC_017362	XLOC_017362	HARS2	chr5:140053489-140078890	-0.13873	0.999791
XLOC_023980	XLOC_023980	GLA	chrX:100645877-100669128	-0.138709	0.999791
XLOC_000193	XLOC_000193	MAN1C1	chr1:25943958-26111258	-0.138686	1
XLOC_011292	XLOC_011292	PLEKHJ1	chr19:2233154-2236328	-0.138641	0.999791
XLOC_014528	XLOC_014528	TOM1	chr22:35695267-35743987	-0.13863	0.999791
XLOC_008996	XLOC_008996	RASL10B	chr17:34058678-34070540	-0.138628	0.999791
XLOC_013574	XLOC_013574	FRG1B	chr20:29611878-29634007	-0.138626	0.999791
XLOC_003082	XLOC_003082	HPS1	chr10:100175954-100206704	-0.138472	0.999791
XLOC_023916	XLOC_023916	PDZD11	chrX:69506210-69509798	-0.138392	0.999791
XLOC_004136	XLOC_004136	CD59	chr11:33724555-33758025	-0.13836	0.999791
XLOC_003634	XLOC_003634	BANF1	chr11:65764015-65771617	-0.138255	0.999791
XLOC_000249	XLOC_000249	TMEM39B	chr1:32538502-32568467	-0.138225	0.999791
XLOC_021411	XLOC_021411	PAXIP1	chr7:154720226-154794682	-0.138225	0.999791
XLOC_008213	XLOC_008213	FUK	chr16:70488497-70514177	-0.138195	0.999791
XLOC_005807	XLOC_005807	MIPEPP3	chr13:21872263-22033508	-0.138113	0.999791
XLOC_017250	XLOC_017250	PAM	chr5:102201526-102366808	-0.138033	0.999791
XLOC_017377	XLOC_017377	PCDHB16	chr5:140560979-140565796	-0.137981	0.999791
XLOC_002595	XLOC_002595	KIF11	chr10:94352824-94415152	-0.137952	0.999791
XLOC_003720	XLOC_003720	SERPINH1	chr11:75273100-75283849	-0.13795	0.999791
XLOC_002777	XLOC_002777	PAOX	chr10:135192740-135205198	-0.137911	0.999791
XLOC_003659	XLOC_003659	RAD9A	chr11:67159422-67169376	-0.137806	0.999791
XLOC_022532	XLOC_022532	GSN	chr9:124030379-124095120	-0.137782	0.999791
XLOC_023194	XLOC_023194	RNF208	chr9:140114698-140115775	-0.137779	0.999791
XLOC_017052	XLOC_017052	LRRC14B	chr5:191625-195468	-0.137752	1
XLOC_011596	XLOC_011596	ZNF792	chr19:35447257-35454953	-0.137714	0.999791
XLOC_009662	XLOC_009662	FBXL20	chr17:37408896-37557909	-0.137712	0.999791
XLOC_002846	XLOC_002846	DNAJC1	chr10:22045476-22292650	-0.137685	0.999791
XLOC_012350	XLOC_012350	MRPS9	chr2:105654482-105716418	-0.137657	0.999791
XLOC_003222	XLOC_003222	PKP3	chr11:394216-404908	-0.137602	0.999791
XLOC_010894	XLOC_010894	CIC	chr19:42788816-42799949	-0.137588	0.999791
XLOC_017857	XLOC_017857	NDUFA2	chr5:140019011-140027370	-0.137483	0.999791
XLOC_011650	XLOC_011650	ECH1	chr19:39306061-39322497	-0.137466	0.999791
XLOC_009988	XLOC_009988	PRPSAP1	chr17:74306867-74350230	-0.13743	0.999791
XLOC_006882	XLOC_006882	ZFYVE1	chr14:73436158-73493920	-0.137414	0.999791

XLOC_022116	XLOC_022116	COX6C	chr8:100890222-100906242	-0.137286	0.999791
XLOC_018084	XLOC_018084	ACOT13	chr6:24667262-24719403	-0.137268	0.999791
XLOC_002511	XLOC_002511	MCU	chr10:74451888-74647452	-0.137233	0.999791
XLOC_012487	XLOC_012487	GCA	chr2:163200582-163219148	-0.137197	0.999791
XLOC_003693	XLOC_003693	RNF121	chr1:71639767-71708643	-0.137127	0.999791
XLOC_022910	XLOC_022910	ZCCHC6	chr9:88902647-88969402	-0.137063	0.999791
XLOC_000147	XLOC_000147	C1orf151-NBL1,MINOS1,NBL1	chr1:19923470-19984949	-0.137058	0.999791
XLOC_014905	XLOC_014905	PLXNB2	chr22:50713407-50746001	-0.137043	0.999791
XLOC_009314	XLOC_009314	SYNGR2	chr17:76164670-76169009	-0.136935	0.999791
XLOC_003858	XLOC_003858	VPS11	chr11:118938492-118952688	-0.136822	0.999791
XLOC_000203	XLOC_000203	SH3BGRL3	chr1:26606212-26608013	-0.136798	0.999791
XLOC_006512	XLOC_006512	DICER1-AS1	chr14:95624024-95646270	-0.136768	0.999791
XLOC_011478	XLOC_011478	PALM3	chr19:14164178-14169971	-0.136756	0.999791
XLOC_010416	XLOC_010416	MBP	chr18:74690788-74844774	-0.13675	0.999791
XLOC_008359	XLOC_008359	CASKIN1	chr16:2205798-2246465	-0.136732	0.999791
XLOC_021744	XLOC_021744	NSMCE2	chr8:126104082-126379367	-0.136696	0.999791
XLOC_001492	XLOC_001492	FOXJ3	chr1:42642209-42801548	-0.136647	0.999791
XLOC_022601	XLOC_022601	DOLPP1	chr9:131843382-131852717	-0.136549	0.999791
XLOC_000913	XLOC_000913	QSOX1	chr1:180123967-180169859	-0.136308	0.999791
XLOC_012553	XLOC_012553	GULP1	chr2:189156395-189460652	-0.136291	0.999791
XLOC_001249	XLOC_001249	RERE	chr1:8412463-8877699	-0.136275	0.999791
XLOC_018653	XLOC_018653	DTNBP1	chr6:15523031-15663289	-0.136221	0.999791
XLOC_017394	XLOC_017394	ARHGAP26	chr5:142150291-142608572	-0.136104	0.999791
XLOC_008070	XLOC_008070	KAT8	chr16:31128984-31142714	-0.135951	0.999791
XLOC_019136	XLOC_019136	LATS1	chr6:149979288-150039392	-0.135949	0.999791
XLOC_015141	XLOC_015141	SMIM4	chr3:52570620-52574586	-0.135939	0.999791
XLOC_017369	XLOC_017369	PCDHB2	chr5:140474236-140476964	-0.135935	0.999791
XLOC_012522	XLOC_012522	SCRN3	chr2:175260456-175294303	-0.135918	0.999791
XLOC_010538	XLOC_010538	STXBP2	chr19:7701986-7712760	-0.135914	0.999791
XLOC_003136	XLOC_003136	BBIP1	chr10:112631552-112679124	-0.135828	0.999791
XLOC_006663	XLOC_006663	PACS2	chr14:105675622-105864484	-0.135743	0.999791
XLOC_018627	XLOC_018627	ECI2	chr6:4068592-4135831	-0.135688	0.999791
XLOC_013053	XLOC_013053	ANKRD39	chr2:97513723-97523756	-0.135685	0.999791
XLOC_009143	XLOC_009143	NFE2L1	chr17:46125685-46138907	-0.135554	0.999791
XLOC_008796	XLOC_008796	C17orf100	chr17:6555058-6556617	-0.135528	0.999791
XLOC_015243	XLOC_015243	HHLA2	chr3:108021331-108097126	-0.135495	1
XLOC_001687	XLOC_001687	CLCC1	chr1:109419602-109506111	-0.135494	0.999791
XLOC_013591	XLOC_013591	TM9SF4	chr20:30697308-30755061	-0.135475	0.999791
XLOC_003115	XLOC_003115	ACTR1A	chr10:104238985-104262512	-0.135389	0.999791
XLOC_001719	XLOC_001719	PPM1J	chr1:113252615-113257950	-0.135378	0.999791
XLOC_013115	XLOC_013115	RPL23AP7	chr2:114368815-114384715	-0.135243	0.999791
XLOC_017168	XLOC_017168	OCLN	chr5:68788118-68853931	-0.1352	0.999791
XLOC_007490	XLOC_007490	GOLGA8A	chr15:34671269-34729667	-0.135109	0.999791
XLOC_009991	XLOC_009991	CYGB	chr17:74523429-74541458	-0.135096	1
XLOC_012352	XLOC_012352	C2orf49	chr2:105954012-105961984	-0.13509	0.999791
XLOC_017558	XLOC_017558	SDHAP3	chr5:1572072-1594646	-0.135005	0.999791
XLOC_014845	XLOC_014845	DNAJB7	chr22:41253084-41328823	-0.134989	1
XLOC_016402	XLOC_016402	PRDM8	chr4:81106423-81125482	-0.134855	0.999791
XLOC_002530	XLOC_002530	C10orf11	chr10:77542518-78317126	-0.134824	0.999791
XLOC_011789	XLOC_011789	TMEM160	chr19:47549166-47551882	-0.134815	0.999791
XLOC_004912	XLOC_004912	ORMDL2	chr12:56211805-56236767	-0.134708	0.999791
XLOC_004843	XLOC_004843	DIP2B	chr12:50898767-51142450	-0.134702	0.999791
XLOC_012975	XLOC_012975	EXOC6B	chr2:72406443-73053177	-0.134666	0.999791
XLOC_014514	XLOC_014514	LIMK2	chr22:31608249-31676066	-0.134606	0.999791
XLOC_000783	XLOC_000783	NTRK1	chr1:156776034-156851642	-0.134561	1
XLOC_023478	XLOC_023478	CHIC1	chrX:72782983-72906937	-0.134529	0.999791
XLOC_010595	XLOC_010595	SWSAP1	chr19:11485382-11487627	-0.1345	0.999791
XLOC_018304	XLOC_018304	PPP2R5D	chr6:42952236-42981618	-0.134483	0.999791
XLOC_021312	XLOC_021312	UBE2H	chr7:129470572-129592800	-0.134274	0.999791
XLOC_013957	XLOC_013957	MROH8	chr20:35729628-35870025	-0.134256	1
XLOC_023035	XLOC_023035	ASTN2	chr9:119187503-120177317	-0.134106	0.999791
XLOC_014962	XLOC_014962	LSM3	chr3:14220227-14239869	-0.134095	0.999791
XLOC_011428	XLOC_011428	YIPF2	chr19:10982252-11039357	-0.134061	0.999791
XLOC_014934	XLOC_014934	OGG1	chr3:9791627-9811668	-0.133995	0.999791
XLOC_013516	XLOC_013516	PCNA-AS1	chr20:5095598-5107268	-0.133979	0.999791
XLOC_010976	XLOC_010976	SEPW1	chr19:48281841-48287943	-0.133956	0.999791
XLOC_018169	XLOC_018169	RPP21,TRIM39,TRIM39-RPP21	chr6:30201815-30314635	-0.133735	0.999791
XLOC_008317	XLOC_008317	TMEM8A	chr16:420775-431950	-0.133609	0.999791
XLOC_021469	XLOC_021469	FDFT1	chr8:11660189-11696818	-0.133518	0.999791
XLOC_007146	XLOC_007146	CHST14	chr15:40763159-40765357	-0.133458	0.999791
XLOC_000130	XLOC_000130	SZRD1	chr1:16693524-16724643	-0.133442	0.999791
XLOC_005163	XLOC_005163	OGFOD2	chr12:123459353-123464588	-0.133336	0.999791
XLOC_023834	XLOC_023834	ELK1	chrX:47494918-47510003	-0.133252	0.999791
XLOC_021919	XLOC_021919	GNRH1	chr8:25276773-25282556	-0.133163	0.999791
XLOC_008487	XLOC_008487	CLN3	chr16:28488599-28503623	-0.133162	0.999791
XLOC_014661	XLOC_014661	CECR5	chr22:17618409-17646335	-0.133115	0.999791
XLOC_007670	XLOC_007670	PKM	chr15:72491369-72523727	-0.133113	0.999791
XLOC_013199	XLOC_013199	RBMS1	chr2:161128661-161350318	-0.133108	1
XLOC_002833	XLOC_002833	C1QL3	chr10:16478941-16564004	-0.133051	1

XLOC_006158	XLOC_006158	TBC1D4	chr13:75858808-76056250	-0.133012	0.999791
XLOC_001037	XLOC_001037	PPP2R5A	chr1:212458878-212535205	-0.132993	0.999791
XLOC_022384	XLOC_022384	FAM122A	chr9:71320615-71624091	-0.132975	0.999791
XLOC_015151	XLOC_015151	IL17RB	chr3:53880576-53899827	-0.132968	0.999791
XLOC_013784	XLOC_013784	RTEL1,TNFRSF6B	chr20:62289162-62367494	-0.132918	0.999791
XLOC_013845	XLOC_013845	PCNA	chr20:5095598-5107268	-0.132746	0.999791
XLOC_009961	XLOC_009961	HID1	chr17:72946838-72968900	-0.132693	0.999791
XLOC_000405	XLOC_000405	LRRC42	chr1:54411998-54433841	-0.132691	0.999791
XLOC_023835	XLOC_023835	UXT	chrX:47511190-47519776	-0.132677	0.999791
XLOC_018881	XLOC_018881	MEA1	chr6:42952236-42981618	-0.132674	0.999791
XLOC_013977	XLOC_013977	C20orf111	chr20:42824580-42839546	-0.132633	0.999791
XLOC_012939	XLOC_012939	VPS54	chr2:64119666-64246214	-0.132598	0.999791
XLOC_006822	XLOC_006822	WDHD1	chr14:55405655-55493819	-0.132489	0.999791
XLOC_022952	XLOC_022952	PTCH1	chr9:98205263-98279247	-0.132453	0.999791
XLOC_002382	XLOC_002382	OTUD1	chr10:23728197-23731310	-0.132443	0.999791
XLOC_002805	XLOC_002805	PRKCQ	chr10:6469104-6622254	-0.132384	0.999791
XLOC_016705	XLOC_016705	RELL1	chr4:37455551-37687999	-0.132317	0.999791
XLOC_023961	XLOC_023961	BRWD3	chrX:79924986-80065233	-0.132316	0.999791
XLOC_013612	XLOC_013612	RALY	chr20:32581457-32670991	-0.132282	0.999791
XLOC_011326	XLOC_011326	SH3GL1	chr19:4360363-4400565	-0.132272	0.999791
XLOC_018852	XLOC_018852	SAYS1	chr6:39071839-39082865	-0.132219	0.999791
XLOC_008638	XLOC_008638	ESRP2	chr16:68119268-68270136	-0.132147	0.999791
XLOC_010225	XLOC_010225	TNFRSF11A	chr18:59992519-60054943	-0.132139	0.999791
XLOC_020619	XLOC_020619	LMTK2	chr7:97736196-97838944	-0.132125	0.999791
XLOC_010336	XLOC_010336	TPGS2	chr18:33877701-34805288	-0.132122	0.999791
XLOC_006941	XLOC_006941	LGMN	chr14:93170151-93215047	-0.132059	0.999791
XLOC_017973	XLOC_017973	LMAN2	chr5:176758562-176778885	-0.131996	0.999791
XLOC_015676	XLOC_015676	SETD2	chr3:47057897-47205467	-0.131967	0.999791
XLOC_008326	XLOC_008326	GNG13	chr16:838621-850733	-0.131932	1
XLOC_008307	XLOC_008307	DEFB	chr16:90015138-90034468	-0.131883	0.999791
XLOC_004542	XLOC_004542	BUD13	chr11:116618885-116643714	-0.131842	0.999791
XLOC_013594	XLOC_013594	ASXL1	chr20:30946146-31027122	-0.131732	0.999791
XLOC_023994	XLOC_023994	RAB40A	chrX:102754680-102774417	-0.131718	0.999791
XLOC_010295	XLOC_010295	FAM210A	chr18:13663345-13726591	-0.131616	0.999791
XLOC_011306	XLOC_011306	AES	chr19:3052907-3062964	-0.131576	0.999791
XLOC_018488	XLOC_018488	CENPW	chr6:126661252-126669754	-0.131544	0.999791
XLOC_010042	XLOC_010042	P4HB	chr17:79801033-79818544	-0.131526	0.999791
XLOC_001267	XLOC_001267	MAD2L2	chr1:11734536-11751678	-0.131509	0.999791
XLOC_007235	XLOC_007235	FAM81A	chr15:59730371-59815751	-0.1315	0.999791
XLOC_011957	XLOC_011957	TNNT1	chr19:55644160-55660606	-0.131497	0.999791
XLOC_012057	XLOC_012057	TRIB2	chr2:12856997-12882858	-0.131493	0.999791
XLOC_000616	XLOC_000616	CD101	chr1:117544371-117579173	-0.131472	0.999791
XLOC_003902	XLOC_003902	CHEK1	chr11:125495030-125550793	-0.131465	0.999791
XLOC_008108	XLOC_008108	LPCAT2	chr16:55542912-55620582	-0.131459	0.999791
XLOC_005319	XLOC_005319	MANSC1	chr12:12482217-12503169	-0.131457	0.999791
XLOC_016483	XLOC_016483	SYNPO2	chr4:119809995-119982402	-0.131329	1
XLOC_018882	XLOC_018882	CUL7	chr6:43005354-43021683	-0.131295	0.999791
XLOC_007186	XLOC_007186	B2M	chr15:45003684-45010357	-0.131285	0.999791
XLOC_014523	XLOC_014523	FBXO7	chr22:32870706-32894818	-0.131147	0.999791
XLOC_003953	XLOC_003953	POLR2L	chr11:839720-842529	-0.131118	0.999791
XLOC_001006	XLOC_001006	SRGAP2,SRGAP2C,SRGAP2D	chr1:206516199-206637783	-0.13111	0.999791
XLOC_010863	XLOC_010863	MAP3K10	chr19:40697650-40721482	-0.131092	0.999791
XLOC_018000	XLOC_018000	TBC1D9B	chr5:179289070-179334856	-0.130995	0.999791
XLOC_000336	XLOC_000336	PTPRF	chr1:43996546-44089343	-0.130921	0.999791
XLOC_011883	XLOC_011883	KLK6	chr19:51461886-51472929	-0.130885	1
XLOC_009292	XLOC_009292	CDK3,TEN1	chr17:73937588-74002080	-0.130855	0.999791
XLOC_022189	XLOC_022189	ST3GAL1	chr8:134467090-134584183	-0.13085	0.999791
XLOC_015499	XLOC_015499	EIF4A2	chr3:186501360-186524484	-0.130829	0.999791
XLOC_000918	XLOC_000918	IER5	chr1:181057637-181059979	-0.130775	0.999791
XLOC_005937	XLOC_005937	LMO7	chr13:76194569-76434006	-0.130766	0.999791
XLOC_009963	XLOC_009963	NT5C	chr17:73106081-73127890	-0.130693	0.999791
XLOC_001319	XLOC_001319	AKR7A3	chr1:19609056-19615280	-0.130688	0.999791
XLOC_018844	XLOC_018844	MTCH1	chr6:36935910-36954327	-0.130626	0.999791
XLOC_016731	XLOC_016731	CORIN	chr4:47596017-47840059	-0.130599	1
XLOC_022563	XLOC_022563	MVB12B	chr9:129089122-129269320	-0.130587	0.999791
XLOC_021493	XLOC_021493	XPO7	chr8:21777179-21864096	-0.130577	0.999791
XLOC_003397	XLOC_003397	CAT	chr11:34460471-34493607	-0.130565	0.999791
XLOC_014299	XLOC_014299	SYNJ1	chr21:34001068-34100351	-0.130486	0.999791
XLOC_020788	XLOC_020788	NDUFB2	chr7:140395135-140406446	-0.130455	0.999791
XLOC_012447	XLOC_012447	CCNT2	chr2:135676391-135716915	-0.130446	0.999791
XLOC_021214	XLOC_021214	TSC22D4	chr7:100064141-100076902	-0.130444	0.999791
XLOC_023051	XLOC_023051	NDUFA8	chr9:124906337-124922098	-0.130417	0.999791
XLOC_017036	XLOC_017036	FLJ38576	chr4:187110185-187112644	-0.130409	1
XLOC_005077	XLOC_005077	C12orf23	chr12:107349543-107367813	-0.130376	0.999791
XLOC_021773	XLOC_021773	LY6E	chr8:144099901-144103827	-0.130307	0.999791
XLOC_011029	XLOC_011029	FCGRT	chr19:50015535-50029685	-0.130167	0.999791
XLOC_001651	XLOC_001651	TGFBR3	chr1:92145899-92371559	-0.130118	0.999791
XLOC_012278	XLOC_012278	RNF181	chr2:85822836-85824831	-0.130117	0.999791
XLOC_014922	XLOC_014922	BHLHE40	chr3:5021096-5026865	-0.130117	0.999791

XLOC_021120	XLOC_021120	POM121C	chr7:75039623-75115568	-0.130053	0.999791
XLOC_004923	XLOC_004923	ZC3H10	chr12:56512029-56516278	-0.130047	0.999791
XLOC_010148	XLOC_010148	C18orf8	chr18:21083433-21166581	-0.130044	0.999791
XLOC_022958	XLOC_022958	ZNF367	chr9:99148224-99180669	-0.129967	0.999791
XLOC_013249	XLOC_013249	LOC375295	chr2:177494308-177502302	-0.129941	0.999791
XLOC_015488	XLOC_015488	VPS8	chr3:184529930-184770402	-0.129802	0.999791
XLOC_009163	XLOC_009163	XYLT2	chr17:48423392-48438512	-0.129782	0.999791
XLOC_003256	XLOC_003256	TSSC4	chr11:2423522-2425106	-0.129778	0.999791
XLOC_000832	XLOC_000832	HSPA7	chr1:161575848-161578341	-0.129622	1
XLOC_018308	XLOC_018308	PTK7	chr6:43044005-43129458	-0.129612	0.999791
XLOC_007427	XLOC_007427	IGF1R	chr15:99192760-99507759	-0.129611	0.999791
XLOC_005236	XLOC_005236	TNFRSF1A	chr12:6437922-6451283	-0.129573	0.999791
XLOC_023013	XLOC_023013	SUSD1	chr9:114758831-115112545	-0.129527	0.999791
XLOC_022477	XLOC_022477	STX17	chr9:102668914-102736818	-0.129485	0.999791
XLOC_013940	XLOC_013940	EDEM2	chr20:33703159-33735161	-0.129477	0.999791
XLOC_012835	XLOC_012835	PREB	chr2:27346656-27357542	-0.129369	0.999791
XLOC_014737	XLOC_014737	TPST2	chr22:26921713-26986089	-0.129349	0.999791
XLOC_008432	XLOC_008432	NTAN1	chr16:15131709-15149936	-0.129328	0.999791
XLOC_009889	XLOC_009889	USP32	chr17:58254690-58469586	-0.129326	0.999791
XLOC_014996	XLOC_014996	STT3B	chr3:31574490-31677556	-0.129302	0.999791
XLOC_020443	XLOC_020443	EEPD1	chr7:36192835-36341152	-0.129295	0.999791
XLOC_014544	XLOC_014544	SH3BP1	chr22:38035683-38052050	-0.129274	0.999791
XLOC_000149	XLOC_000149	OTUD3	chr1:20208887-20239437	-0.129232	0.999791
XLOC_010534	XLOC_010534	MCOLN1	chr19:7587495-7598895	-0.129187	0.999791
XLOC_006504	XLOC_006504	OTUB2	chr14:94492723-94515276	-0.129177	0.999791
XLOC_007182	XLOC_007182	WDR76	chr15:44119111-44160617	-0.129166	0.999791
XLOC_001864	XLOC_001864	SLC39A1	chr1:153931574-153950451	-0.129096	0.999791
XLOC_020671	XLOC_020671	SH2B2	chr7:101928404-101962178	-0.129052	0.999791
XLOC_011090	XLOC_011090	ZNF137P	chr19:53099936-53103405	-0.129011	1
XLOC_000643	XLOC_000643	ANKRD35	chr1:145549208-145568526	-0.128994	1
XLOC_014497	XLOC_014497	NF2	chr22:29999544-30094589	-0.128991	0.999791
XLOC_014483	XLOC_014483	SRRD	chr22:26879849-26908437	-0.128848	0.999791
XLOC_001132	XLOC_001132	EXO1	chr1:242011492-242053241	-0.128796	0.999791
XLOC_022861	XLOC_022861	LOC642236	chr9:68427782-68454375	-0.128777	1
XLOC_018698	XLOC_018698	ZNF184	chr6:27418520-27440897	-0.128682	0.999791
XLOC_005528	XLOC_005528	BAZZA	chr12:56915608-57030163	-0.128653	0.999791
XLOC_011013	XLOC_011013	LIN7B	chr19:49617617-49622397	-0.128648	0.999791
XLOC_024047	XLOC_024047	CUL4B	chrX:119658445-119709684	-0.128638	0.999791
XLOC_001486	XLOC_001486	CITED4	chr1:41326727-41328018	-0.128558	0.999791
XLOC_016668	XLOC_016668	WDR1	chr4:10075962-10118573	-0.128558	0.999791
XLOC_005065	XLOC_005065	HCFC2	chr12:104458235-104500304	-0.128533	0.999791
XLOC_008026	XLOC_008026	SPNS1	chr16:28986095-28995869	-0.128512	0.999791
XLOC_022812	XLOC_022812	PIGO	chr9:35088684-35096598	-0.128456	0.999791
XLOC_002607	XLOC_002607	HELLS	chr10:96305573-96361856	-0.128393	0.999791
XLOC_010505	XLOC_010505	MIR7-3HG	chr19:47699116-4772568	-0.128341	1
XLOC_013666	XLOC_013666	TOX2	chr20:42543491-42698254	-0.128341	0.999791
XLOC_013647	XLOC_013647	SNHG11	chr20:37075296-37079564	-0.128325	0.999791
XLOC_001541	XLOC_001541	FAF1	chr1:50906934-51425936	-0.128282	0.999791
XLOC_023110	XLOC_023110	IER5L	chr9:131937830-131940540	-0.128187	0.999791
XLOC_005517	XLOC_005517	PME1	chr12:56347888-56360496	-0.128166	0.999791
XLOC_016640	XLOC_016640	MFSD10	chr4:2932287-2936586	-0.128073	0.999791
XLOC_015575	XLOC_015575	VGLL4	chr3:11314009-11762220	-0.128061	0.999791
XLOC_015891	XLOC_015891	GSK3B	chr3:119540801-119813264	-0.128028	0.999791
XLOC_014745	XLOC_014745	XBP1	chr22:29190547-29196560	-0.127938	0.999791
XLOC_016277	XLOC_016277	TBC1D1	chr4:37892704-38140796	-0.127852	0.999791
XLOC_020685	XLOC_020685	MLL5	chr7:104654636-104754532	-0.127817	0.999791
XLOC_006960	XLOC_006960	CLMN	chr14:95648275-95786245	-0.127747	0.999791
XLOC_003732	XLOC_003732	AAMDC	chr11:77532207-77583398	-0.127734	0.999791
XLOC_012271	XLOC_012271	KCMF1	chr2:85198230-85286595	-0.127621	0.999791
XLOC_016284	XLOC_016284	KLB	chr4:39408472-39453153	-0.127597	1
XLOC_009928	XLOC_009928	HELZ	chr17:65066553-65241319	-0.127451	0.999791
XLOC_010403	XLOC_010403	RTTN	chr18:67671042-67872962	-0.127326	0.999791
XLOC_008924	XLOC_008924	WSB1	chr17:25621105-25640645	-0.127311	0.999791
XLOC_012195	XLOC_012195	PEX13	chr2:61167547-61279125	-0.127237	0.999791
XLOC_007314	XLOC_007314	COMMD4	chr15:75628373-75632614	-0.127222	0.999791
XLOC_016182	XLOC_016182	ADD1	chr4:2845583-2931802	-0.127133	0.999791
XLOC_007923	XLOC_007923	NUDT16L1	chr16:4743693-4745860	-0.127112	0.999791
XLOC_011286	XLOC_011286	FAM108A1	chr19:1876974-1885518	-0.127085	0.999791
XLOC_005767	XLOC_005767	PITPNM2	chr12:123468026-123594975	-0.126964	0.999791
XLOC_017268	XLOC_017268	DCP2	chr5:112312406-112824527	-0.126849	0.999791
XLOC_008614	XLOC_008614	FAM96B	chr16:66965957-66968326	-0.126824	0.999791
XLOC_018234	XLOC_018234	SLC39A7	chr6:33168602-33172214	-0.126731	0.999791
XLOC_000499	XLOC_000499	LRRC8C	chr1:90098643-90185094	-0.126694	0.999791
XLOC_018140	XLOC_018140	ZSCAN9	chr6:28193028-28201264	-0.126624	0.999791
XLOC_018024	XLOC_018024	LOC100508120	chr6:2245986-2413825	-0.126569	0.999791
XLOC_016294	XLOC_016294	LIMCH1	chr4:41362803-41702061	-0.126552	0.999791
XLOC_003699	XLOC_003699	INPL1	chr11:71935881-71955220	-0.126439	0.999791
XLOC_014728	XLOC_014728	GUCD1	chr22:24936405-24951275	-0.126438	0.999791
XLOC_001387	XLOC_001387	AHDC1	chr1:27860755-27930143	-0.126337	0.999791

XLOC_015805	XLOC_015805	LRIG1	chr3:66119284-66550845	-0.126316	0.999791
XLOC_024174	XLOC_024174	HAUS7	chrX:152713122-152775004	-0.126271	0.999791
XLOC_012761	XLOC_012761	LOC728323	chr2:243030843-243102469	-0.126217	1
XLOC_015229	XLOC_015229	FAM172BP	chr3:101237710-101242731	-0.126194	1
XLOC_005802	XLOC_005802	ZMYM2	chr13:20532809-20665968	-0.126117	0.999791
XLOC_011495	XLOC_011495	ILVBL	chr19:15218213-15236577	-0.126114	0.999791
XLOC_002042	XLOC_002042	RC3H1	chr1:173900351-173962210	-0.126109	0.999791
XLOC_023706	XLOC_023706	EMD	chrX:153607596-153609883	-0.126073	0.999791
XLOC_010774	XLOC_010774	SCN1B	chr19:35521591-35531353	-0.126032	0.999791
XLOC_005090	XLOC_005090	MVK	chr12:110011499-110035071	-0.12603	0.999791
XLOC_004740	XLOC_004740	RPL13AP20	chr12:13028410-13029070	-0.125979	0.999791
XLOC_015824	XLOC_015824	ROBO1	chr3:78646387-79817059	-0.125964	0.999791
XLOC_020864	XLOC_020864	AGAP3	chr7:150783825-150841523	-0.125963	0.999791
XLOC_023001	XLOC_023001	PTPN3	chr9:112137973-112260593	-0.125931	0.999791
XLOC_007802	XLOC_007802	SNRPA1	chr15:101821714-101835460	-0.125735	0.999791
XLOC_010548	XLOC_010548	SNAPC2	chr19:7985193-7988136	-0.125441	0.999791
XLOC_022443	XLOC_022443	PHF2	chr9:96338908-96441869	-0.125403	0.999791
XLOC_021799	XLOC_021799	HSF1	chr8:145515269-145550567	-0.125393	0.999791
XLOC_023192	XLOC_023192	TPRN	chr9:140086068-140095163	-0.125324	0.999791
XLOC_001000	XLOC_001000	CDK18	chr1:205473683-205501921	-0.125318	0.999791
XLOC_007166	XLOC_007166	JMJD7, JMJD7-PLA2G4B, PLA2G4	chr15:42120282-42186275	-0.125231	0.999791
XLOC_011962	XLOC_011962	TMEM86B	chr19:55738001-55740632	-0.125202	0.999791
XLOC_008313	XLOC_008313	LUC7L	chr16:238969-279449	-0.125154	0.999791
XLOC_019106	XLOC_019106	IFNGR1	chr6:137518620-137540567	-0.125097	0.999791
XLOC_000847	XLOC_000847	NUF2	chr1:163291722-163325553	-0.124956	0.999791
XLOC_008105	XLOC_008105	IRX5	chr16:54965110-54968395	-0.124909	0.999791
XLOC_004327	XLOC_004327	RELA	chr11:65421066-65430443	-0.124887	0.999791
XLOC_013098	XLOC_013098	LINC00116	chr2:110969105-110980517	-0.124802	0.999791
XLOC_011217	XLOC_011217	ZNF805	chr19:57752052-57774106	-0.12478	0.999791
XLOC_022613	XLOC_022613	PRDM12	chr9:133539980-133558384	-0.124617	0.999791
XLOC_021178	XLOC_021178	SHFM1	chr7:96318078-96339203	-0.124616	0.999791
XLOC_000960	XLOC_000960	CAMSAP2	chr1:200708685-200829831	-0.124551	0.999791
XLOC_000644	XLOC_000644	PIAS3	chr1:145575987-145589435	-0.124493	0.999791
XLOC_004338	XLOC_004338	YIF1A	chr1:166052050-66056638	-0.124361	0.999791
XLOC_007140	XLOC_007140	BUB1B, PAK6	chr15:40453209-40569688	-0.12429	0.999791
XLOC_003982	XLOC_003982	OSBPL5	chr11:3108345-3186582	-0.124271	0.999791
XLOC_013628	XLOC_013628	ROMO1	chr20:34256609-34288902	-0.12424	0.999791
XLOC_007866	XLOC_007866	SYNGR3	chr16:2039945-2044276	-0.124222	0.999791
XLOC_004524	XLOC_004524	ALG9	chr11:111652918-111742305	-0.124211	0.999791
XLOC_013924	XLOC_013924	COMMD7	chr20:31290492-31331814	-0.124211	0.999791
XLOC_012819	XLOC_012819	ITSN2	chr2:24425734-24583397	-0.124128	0.999791
XLOC_005433	XLOC_005433	TUBA1B	chr12:49521566-49525304	-0.124126	0.999791
XLOC_012694	XLOC_012694	C2orf72	chr2:231902280-231914427	-0.124095	0.999791
XLOC_010202	XLOC_010202	SMAD4	chr18:48556582-48611411	-0.123996	0.999791
XLOC_023199	XLOC_023199	ENTPD8	chr9:140317846-140335901	-0.123931	1
XLOC_012667	XLOC_012667	TMEM198	chr2:220408744-220415317	-0.123885	0.999791
XLOC_020735	XLOC_020735	FLJ45340	chr7:128281294-128301052	-0.123856	0.999791
XLOC_016936	XLOC_016936	NDUFC1	chr4:140211070-140311935	-0.123712	0.999791
XLOC_010487	XLOC_010487	CACTIN-AS1	chr19:3607244-3626813	-0.123628	1
XLOC_017530	XLOC_017530	MAML1	chr5:179159850-179204287	-0.123582	0.999791
XLOC_001062	XLOC_001062	MARC1	chr1:220960038-220987741	-0.12358	0.999791
XLOC_002999	XLOC_002999	MYOZ1	chr10:75391369-75401515	-0.123551	1
XLOC_002662	XLOC_002662	GBF1	chr10:104005254-104142656	-0.123546	0.999791
XLOC_005845	XLOC_005845	FRY	chr13:32605436-32870776	-0.123538	1
XLOC_002248	XLOC_002248	SIPA1L2	chr1:232533711-232651243	-0.123427	1
XLOC_015126	XLOC_015126	TEX264	chr3:51705221-51738339	-0.123418	0.999791
XLOC_008480	XLOC_008480	ZKSCAN2	chr16:25247321-25268855	-0.123249	0.999791
XLOC_021033	XLOC_021033	PGAM2	chr7:44102325-44105186	-0.123178	0.999791
XLOC_022583	XLOC_022583	SWI5	chr9:131038424-131051268	-0.123147	0.999791
XLOC_001995	XLOC_001995	TADA1	chr1:166825748-166845654	-0.123144	0.999791
XLOC_018113	XLOC_018113	BTN2A1	chr6:26458152-26482737	-0.122982	0.999791
XLOC_008814	XLOC_008814	NLGN2	chr17:7311501-7323179	-0.122901	0.999791
XLOC_015787	XLOC_015787	DENND6A	chr3:57611180-57678816	-0.122804	0.999791
XLOC_002881	XLOC_002881	PARD3	chr10:34398487-35104253	-0.1228	0.999791
XLOC_003016	XLOC_003016	ZCCHC24	chr10:81142082-81205383	-0.122695	0.999791
XLOC_018872	XLOC_018872	CCND3	chr6:41902670-42016610	-0.122612	0.999791
XLOC_014677	XLOC_014677	C22orf39	chr22:19428409-19435755	-0.122538	0.999791
XLOC_002276	XLOC_002276	LOC731275	chr1:243219615-243265046	-0.122532	0.999791
XLOC_016597	XLOC_016597	SLC25A4	chr4:186064416-186071538	-0.122491	0.999791
XLOC_008043	XLOC_008043	INO80E	chr16:30007530-30022401	-0.122474	0.999791
XLOC_011871	XLOC_011871	LRRC4B	chr19:51020149-51071302	-0.122422	0.999791
XLOC_008281	XLOC_008281	ZFPF1	chr16:88520013-88601574	-0.122307	0.999791
XLOC_023709	XLOC_023709	TAZ	chrX:153626570-153650063	-0.122244	0.999791
XLOC_009895	XLOC_009895	MED13	chr17:60019965-60142643	-0.122241	0.999791
XLOC_010356	XLOC_010356	SMAD2	chr18:45359465-45457517	-0.122229	0.999791
XLOC_009433	XLOC_009433	DERL2	chr17:5377612-5389494	-0.122213	0.999791
XLOC_008497	XLOC_008497	LOC440354	chr16:29538928-295757540	-0.122182	1
XLOC_008191	XLOC_008191	PLA2G15	chr16:68279246-68294961	-0.122089	0.999791
XLOC_000619	XLOC_000619	MAN1A2	chr1:117910084-118068320	-0.122085	0.999791

XLOC_015354	XLOC_015354	PPP2R3A	chr3:135684514-135866752	-0.122074	0.999791
XLOC_021996	XLOC_021996	TMEM68	chr8:56651319-56738005	-0.122068	0.999791
XLOC_006711	XLOC_006711	AJUBA	chr14:23440409-23451848	-0.121993	0.999791
XLOC_021122	XLOC_021122	HIP1	chr7:75162618-75368283	-0.121922	0.999791
XLOC_000342	XLOC_000342	ATP6V0B	chr1:44440601-44443972	-0.121892	0.999791
XLOC_015253	XLOC_015253	TAGLN3	chr3:111717585-111732735	-0.121878	1
XLOC_000027	XLOC_000027	MIB2	chr1:1550794-1565990	-0.121755	0.999791
XLOC_010345	XLOC_010345	PSTPIP2	chr18:43563501-43652250	-0.121749	1
XLOC_015116	XLOC_015116	SEMA3B	chr3:50305039-50314572	-0.121744	0.999791
XLOC_010850	XLOC_010850	PLEKHG2	chr19:39903749-39919055	-0.12173	0.999791
XLOC_014627	XLOC_014627	PPARA	chr22:46546498-46639653	-0.121708	0.999791
XLOC_017863	XLOC_017863	HDAC3	chr5:141000442-141016423	-0.121659	0.999791
XLOC_015199	XLOC_015199	ZNF654	chr3:88101099-88207115	-0.121603	0.999791
XLOC_011021	XLOC_011021	FLT3LG	chr19:49977465-49989488	-0.121558	0.999791
XLOC_018572	XLOC_018572	SYNJ2	chr6:158402887-158520207	-0.121558	0.999791
XLOC_003635	XLOC_003635	CST6	chr11:65779461-65780976	-0.121521	1
XLOC_016143	XLOC_016143	UBXN7	chr3:196080368-196159345	-0.121424	0.999791
XLOC_011678	XLOC_011678	C19orf47	chr19:40826966-40884390	-0.121393	0.999791
XLOC_012807	XLOC_012807	LAPTM4A	chr2:20232410-20251789	-0.121388	0.999791
XLOC_010806	XLOC_010806	SDHAF1	chr19:36486089-36487220	-0.121378	0.999791
XLOC_010061	XLOC_010061	C17orf62	chr17:80347085-80408707	-0.121268	0.999791
XLOC_014241	XLOC_014241	NRIP1	chr21:16333555-16437126	-0.121247	0.999791
XLOC_006869	XLOC_006869	DCAF5	chr14:69517636-69619914	-0.121223	0.999791
XLOC_014410	XLOC_014410	GP1BB,SEPT5	chr22:19701986-19712297	-0.121223	0.999791
XLOC_004069	XLOC_004069	SBF2	chr11:9776316-10315754	-0.121008	0.999791
XLOC_004298	XLOC_004298	TRPT1	chr11:63974151-63993726	-0.121007	0.999791
XLOC_012013	XLOC_012013	CHMP2A	chr19:59062932-59066486	-0.120998	0.999791
XLOC_014253	XLOC_014253	APP	chr21:27252860-27543446	-0.12097	0.999791
XLOC_007710	XLOC_007710	PEAK1	chr15:77400497-77712446	-0.120949	0.999791
XLOC_007584	XLOC_007584	GNB5	chr15:52413122-52483565	-0.120769	0.999791
XLOC_001084	XLOC_001084	SNAP47	chr1:227916239-227968932	-0.120647	0.999791
XLOC_002171	XLOC_002171	SLC30A1	chr1:211748380-211752099	-0.120639	0.999791
XLOC_014970	XLOC_014970	EAF1	chr3:15469063-15484120	-0.12058	0.999791
XLOC_012500	XLOC_012500	PPIG	chr2:170440849-170494254	-0.120559	0.999791
XLOC_001083	XLOC_001083	LOC100130093	chr1:227916239-227968932	-0.120447	0.999791
XLOC_009737	XLOC_009737	ZNF385C	chr17:40118758-40190044	-0.120287	1
XLOC_010870	XLOC_010870	EGLN2,MIA,RAB4B	chr19:41281081-41314346	-0.120258	0.999791
XLOC_014600	XLOC_014600	C22orf32	chr22:42475694-42480288	-0.120215	0.999791
XLOC_012669	XLOC_012669	STK11IP	chr2:220462595-220481173	-0.12017	0.999791
XLOC_022951	XLOC_022951	FANCC	chr9:97861335-98079991	-0.12008	0.999791
XLOC_022126	XLOC_022126	RRM2B	chr8:103216728-103251346	-0.120056	0.999791
XLOC_013635	XLOC_013635	C20orf24,TGIF2,TGIF2-C20orf24	chr20:35201875-35274619	-0.119995	0.999791
XLOC_013979	XLOC_013979	SERINC3	chr20:43124863-43150726	-0.119989	0.999791
XLOC_009127	XLOC_009127	LRRC37A2	chr17:44590075-44657088	-0.119983	1
XLOC_016515	XLOC_016515	ZNF330	chr4:142142048-142155850	-0.119905	0.999791
XLOC_001185	XLOC_001185	FAM41C	chr1:803450-812182	-0.11986	0.999791
XLOC_016505	XLOC_016505	C4orf33	chr4:130014828-130033843	-0.119755	0.999791
XLOC_014457	XLOC_014457	SMARCB1	chr22:24129149-24181199	-0.119734	0.999791
XLOC_016101	XLOC_016101	CRYGS	chr3:186256231-186262167	-0.119579	0.999791
XLOC_005556	XLOC_005556	LOC100506844	chr12:58325231-58329947	-0.119568	0.999791
XLOC_007979	XLOC_007979	TMEM159	chr16:20944475-21191937	-0.119478	0.999791
XLOC_007729	XLOC_007729	MESDC2	chr15:81268094-81282205	-0.119398	0.999791
XLOC_003823	XLOC_003823	NCAM1	chr11:112831968-113149158	-0.119388	1
XLOC_008446	XLOC_008446	GDE1	chr16:19513014-19533450	-0.119287	0.999791
XLOC_022996	XLOC_022996	CTNNAL1	chr9:111704850-111775764	-0.119243	0.999791
XLOC_001993	XLOC_001993	FAM78B	chr1:166039255-166135958	-0.119207	0.999791
XLOC_014924	XLOC_014924	EDEM1	chr3:52293358-5261650	-0.119179	0.999791
XLOC_005166	XLOC_005166	C12orf65	chr12:123717843-123742506	-0.119163	0.999791
XLOC_001096	XLOC_001096	RHOU	chr1:228780393-228882416	-0.119137	1
XLOC_018062	XLOC_018062	CD83	chr6:14117486-14137148	-0.119116	0.999791
XLOC_019099	XLOC_019099	MTFR2	chr6:136552167-136571449	-0.119108	0.999791
XLOC_003430	XLOC_003430	CREB3L1	chr11:46299227-46342972	-0.119104	1
XLOC_003668	XLOC_003668	NDUFS8	chr11:67798083-67804114	-0.119063	0.999791
XLOC_002240	XLOC_002240	FAM89A	chr1:231154703-231175995	-0.119006	0.999791
XLOC_012333	XLOC_012333	NPAS2	chr2:101436612-101613287	-0.118968	0.999791
XLOC_002501	XLOC_002501	EIF4EBP2	chr10:72163860-72188374	-0.118954	0.999791
XLOC_002859	XLOC_002859	ACBD5	chr10:27484142-27531068	-0.118924	0.999791
XLOC_016585	XLOC_016585	NEIL3	chr4:178230990-178284092	-0.118921	0.999791
XLOC_012170	XLOC_012170	LOC388948	chr2:47043806-47049799	-0.118904	1
XLOC_006413	XLOC_006413	RAD51B	chr14:68286495-69062738	-0.118862	0.999791
XLOC_021911	XLOC_021911	TNFRSF10D	chr8:22993100-23021543	-0.11881	0.999791
XLOC_009066	XLOC_009066	NKIRAS2	chr17:40118758-40190044	-0.118794	0.999791
XLOC_020602	XLOC_020602	ANKIB1	chr7:91875547-92030698	-0.118773	0.999791
XLOC_001378	XLOC_001378	GPATCH3	chr1:27216978-27226962	-0.118748	0.999791
XLOC_015972	XLOC_015972	PIK3CB	chr3:138371539-138478201	-0.118649	0.999791
XLOC_016217	XLOC_016217	CPZ	chr4:8594386-8621488	-0.118536	0.999791
XLOC_018863	XLOC_018863	TREM2	chr6:41126243-41130924	-0.118507	1
XLOC_010096	XLOC_010096	EMILIN2	chr18:2847027-2914090	-0.118478	1
XLOC_005565	XLOC_005565	GNS	chr12:65107221-65153226	-0.11844	0.999791

XLOC_008560	XLOC_008560	ITFG1	chr16:47189297-47495015	-0.118421	0.999791
XLOC_008974	XLOC_008974	LRR37B	chr17:30348154-30380519	-0.118375	0.999791
XLOC_022814	XLOC_022814	FAM214B	chr9:35104117-35115893	-0.118244	0.999791
XLOC_004084	XLOC_004084	RRAS2	chr11:14299465-14386052	-0.1182	0.999791
XLOC_023045	XLOC_023045	C5	chr9:123714613-123812554	-0.118158	1
XLOC_001514	XLOC_001514	TESK2	chr1:45794913-45956840	-0.117986	0.999791
XLOC_007332	XLOC_007332	AGPHD1	chr15:78799905-78829715	-0.117888	0.999791
XLOC_003447	XLOC_003447	PTPRJ	chr11:48002109-48192394	-0.117872	0.999791
XLOC_005439	XLOC_005439	NCKAP5L	chr12:50184928-50222208	-0.117844	0.999791
XLOC_022881	XLOC_022881	TMEM2	chr9:74298281-74383800	-0.117738	0.999791
XLOC_004663	XLOC_004663	NDUFA9	chr12:4758263-4796720	-0.11769	0.999791
XLOC_016164	XLOC_016164	PCGF3	chr4:699572-764427	-0.11749	0.999791
XLOC_015259	XLOC_015259	GTPBP8	chr3:112709799-112720221	-0.117457	0.999791
XLOC_005772	XLOC_005772	RILPL2	chr12:123899935-123921264	-0.117423	0.999791
XLOC_002975	XLOC_002975	LRR20	chr10:72058728-72142382	-0.117404	0.999791
XLOC_009658	XLOC_009658	PLXDC1	chr17:37213271-37307902	-0.117335	1
XLOC_003704	XLOC_003704	ARHGEP17	chr11:73019662-73080425	-0.117304	0.999791
XLOC_001615	XLOC_001615	ZZZ3	chr1:78030189-78148343	-0.117259	0.999791
XLOC_010937	XLOC_010937	GEMIN7	chr19:45582517-45594782	-0.117215	0.999791
XLOC_009216	XLOC_009216	EFCAB3	chr17:60447578-60493839	-0.11719	0.999791
XLOC_013281	XLOC_013281	HIBCH	chr2:191069359-191184771	-0.117134	0.999791
XLOC_021930	XLOC_021930	PBK	chr8:27667137-27695349	-0.117099	0.999791
XLOC_001569	XLOC_001569	DHCR24	chr1:55315299-55352921	-0.117055	0.999791
XLOC_003873	XLOC_003873	TBCEL	chr11:120894802-120960354	-0.117055	0.999791
XLOC_005137	XLOC_005137	COX6A1	chr12:120875892-120878545	-0.117043	0.999791
XLOC_006658	XLOC_006658	LINC00638	chr14:105287537-105290055	-0.117041	1
XLOC_008133	XLOC_008133	HERPUD1	chr16:56965747-56977793	-0.117038	0.999791
XLOC_009748	XLOC_009748	FAM134C	chr17:40731525-40767256	-0.116961	0.999791
XLOC_013922	XLOC_013922	C20orf112	chr20:31030861-31172875	-0.116945	0.999791
XLOC_007233	XLOC_007233	CCNB2	chr15:59397283-59417244	-0.116812	0.999791
XLOC_010481	XLOC_010481	CELF5	chr19:3224700-3297073	-0.116809	0.999791
XLOC_023073	XLOC_023073	PPP6C	chr9:127908851-127952218	-0.116763	0.999791
XLOC_005449	XLOC_005449	CSRNP2	chr12:51454987-51477454	-0.116737	0.999791
XLOC_021946	XLOC_021946	GTF2E2	chr8:30436030-30515738	-0.116719	0.999791
XLOC_009802	XLOC_009802	MRPL45P2	chr17:45527592-45569986	-0.116715	0.999791
XLOC_007562	XLOC_007562	SLC30A4	chr15:45774679-45848928	-0.116713	1
XLOC_010243	XLOC_010243	SOCS6	chr18:67956136-67997434	-0.116679	0.999791
XLOC_008852	XLOC_008852	USP43	chr17:9548853-9633003	-0.116633	0.999791
XLOC_004405	XLOC_004405	PGM2L1	chr11:74041360-74109502	-0.116614	0.999791
XLOC_020812	XLOC_020812	ZYX	chr7:143078359-143220540	-0.116535	0.999791
XLOC_023705	XLOC_023705	TKTL1	chrX:153524026-153558713	-0.116483	1
XLOC_000291	XLOC_000291	CDCA8	chr1:38158072-38175391	-0.116469	0.999791
XLOC_009368	XLOC_009368	NXN	chr17:702552-882998	-0.116457	0.999791
XLOC_001889	XLOC_001889	SCAMP3	chr1:155225769-155232176	-0.116442	0.999791
XLOC_003257	XLOC_003257	KCNQ1	chr11:2466220-2870340	-0.116433	0.999791
XLOC_017001	XLOC_017001	HMGB2	chr4:174252526-174255595	-0.11636	0.999791
XLOC_004179	XLOC_004179	FNBP4	chr11:477380668-47788993	-0.116357	0.999791
XLOC_022377	XLOC_022377	LOC100132352	chr9:68726540-68748372	-0.116346	0.999791
XLOC_010877	XLOC_010877	AXL	chr19:41725107-41767671	-0.116336	0.999791
XLOC_017503	XLOC_017503	FAF2	chr5:175875355-175937075	-0.116331	0.999791
XLOC_018439	XLOC_018439	CEP57L1	chr6:109416355-109485115	-0.116323	0.999791
XLOC_017249	XLOC_017249	FAM174A	chr5:99871123-99922440	-0.116293	0.999791
XLOC_015785	XLOC_015785	DNAH12	chr3:5732726-57530071	-0.116239	1
XLOC_007232	XLOC_007232	RNF111	chr15:59279864-59389618	-0.116173	0.999791
XLOC_022196	XLOC_022196	TRAPPC9	chr8:140742585-141468678	-0.116168	0.999791
XLOC_000126	XLOC_000126	SPEN	chr1:16160709-16266950	-0.116156	0.999791
XLOC_008975	XLOC_008975	SH3GL1P1	chr17:30348154-30380519	-0.116148	1
XLOC_019074	XLOC_019074	ARHGAP18	chr6:129898239-130031370	-0.116138	0.999791
XLOC_007224	XLOC_007224	TEX9	chr15:56657643-56757335	-0.116079	0.999791
XLOC_014070	XLOC_014070	DIDO1	chr20:61509089-61569304	-0.115938	0.999791
XLOC_011392	XLOC_011392	ZNF558	chr19:8920381-8933565	-0.115856	0.999791
XLOC_013054	XLOC_013054	SEMA4C	chr2:97525472-97535735	-0.115678	0.999791
XLOC_006998	XLOC_006998	NUDT14	chr14:105639273-105647660	-0.11566	0.999791
XLOC_015464	XLOC_015464	SOX2	chr3:180774467-181460013	-0.115649	1
XLOC_011542	XLOC_011542	COPE	chr19:19010322-19030199	-0.115619	0.999791
XLOC_016690	XLOC_016690	KCNIP4	chr4:20730238-21950374	-0.115612	1
XLOC_006467	XLOC_006467	GSTZ1	chr14:77787229-77797940	-0.115421	0.999791
XLOC_020546	XLOC_020546	LIMK1	chr7:73498106-73536855	-0.115332	0.999791
XLOC_013049	XLOC_013049	NEURL3	chr2:97163382-97173846	-0.115271	1
XLOC_021920	XLOC_021920	KCTD9	chr8:25285363-25315984	-0.115213	0.999791
XLOC_012691	XLOC_012691	ITM2C	chr2:231729620-231743963	-0.115159	0.999791
XLOC_021614	XLOC_021614	MTFR1	chr8:66556887-66622798	-0.115159	0.999791
XLOC_024192	XLOC_024192	LAGE3	chrX:153705240-153707596	-0.115013	0.999791
XLOC_009296	XLOC_009296	UBALD2	chr17:74261285-74267379	-0.115	0.999791
XLOC_003670	XLOC_003670	TCIRG1	chr11:67806461-67818366	-0.114962	0.999791
XLOC_017354	XLOC_017354	IGIP	chr5:139505520-139508391	-0.114915	0.999791
XLOC_011577	XLOC_011577	HAVCR1P1	chr19:24344994-24346249	-0.114873	1
XLOC_013051	XLOC_013051	LMAN2L	chr2:97371666-97405813	-0.114864	0.999791
XLOC_020377	XLOC_020377	ARL4A	chr7:12726451-12730558	-0.114814	0.999791

XLOC_012964	XLOC_012964	SNRPG	chr2:70508505-70520869	-0.114765	0.999791
XLOC_016134	XLOC_016134	PPP1R2	chr3:195241220-195270224	-0.114754	0.999791
XLOC_007239	XLOC_007239	TLN2	chr15:62939509-63136829	-0.114725	0.999791
XLOC_023276	XLOC_023276	ZRSR2	chrX:15808573-15841382	-0.114706	0.999791
XLOC_000207	XLOC_000207	HMG2	chr1:26798901-26803133	-0.114677	0.999791
XLOC_012137	XLOC_012137	CRIM1	chr2:36583369-36778278	-0.114666	0.999791
XLOC_007625	XLOC_007625	KIAA0101	chr15:64657210-64673702	-0.114643	0.999791
XLOC_001469	XLOC_001469	RRAGC	chr1:39303868-39325495	-0.114618	0.999791
XLOC_015296	XLOC_015296	DIRC2	chr3:122513900-122599986	-0.114524	0.999791
XLOC_012315	XLOC_012315	CNNM4	chr2:97426638-97477628	-0.114465	0.999791
XLOC_012516	XLOC_012516	PKD1	chr2:173420778-173463862	-0.114446	0.999791
XLOC_003856	XLOC_003856	CCDC84	chr11:118868851-118889057	-0.114391	0.999791
XLOC_003242	XLOC_003242	BRSK2	chr11:1411128-1483919	-0.114364	0.999791
XLOC_018770	XLOC_018770	CLIC1	chr6:31698357-31704341	-0.114333	0.999791
XLOC_005888	XLOC_005888	ITM2B	chr13:48807273-48836232	-0.114291	0.999791
XLOC_017971	XLOC_017971	RAB24	chr5:176728198-176730744	-0.114273	0.999791
XLOC_021961	XLOC_021961	LSM1	chr8:38020838-38070819	-0.114236	0.999791
XLOC_021538	XLOC_021538	RBPMS	chr8:30239634-30429734	-0.114221	0.999791
XLOC_013050	XLOC_013050	KANSL3	chr2:97258891-97304116	-0.114212	0.999791
XLOC_015042	XLOC_015042	TRAK1	chr3:42132745-42267382	-0.114206	0.999791
XLOC_023844	XLOC_023844	TIMM17B	chrX:48750729-48760422	-0.114096	0.999791
XLOC_013978	XLOC_013978	FITM2	chr20:42935196-42939889	-0.114082	0.999791
XLOC_010881	XLOC_010881	BCKDHA	chr19:41903693-41930910	-0.113945	0.999791
XLOC_018368	XLOC_018368	LOC441155	chr6:64429875-66417118	-0.113916	1
XLOC_007722	XLOC_007722	CTSH	chr15:79214091-79237420	-0.113909	0.999791
XLOC_004296	XLOC_004296	RCOR2	chr11:63678692-63684316	-0.113898	0.999791
XLOC_011190	XLOC_011190	ZNF524	chr19:56111729-56114504	-0.113783	0.999791
XLOC_005168	XLOC_005168	SNRNP35	chr12:123942650-123950941	-0.113774	0.999791
XLOC_002148	XLOC_002148	NUCKS1	chr1:205681946-205719372	-0.11375	0.999791
XLOC_000391	XLOC_000391	OSBPL9	chr1:52082545-52344609	-0.113749	0.999791
XLOC_023103	XLOC_023103	ZDHHC12	chr9:131464801-131486408	-0.113717	0.999791
XLOC_012626	XLOC_012626	SPAG16	chr2:214149102-215275225	-0.113711	0.999791
XLOC_009558	XLOC_009558	TMEM11	chr17:21101262-21117908	-0.113709	0.999791
XLOC_023018	XLOC_023018	FAM225B	chr9:115867002-115873957	-0.113696	0.999791
XLOC_011916	XLOC_011916	ZNF836	chr19:52658124-52674896	-0.11367	0.999791
XLOC_009923	XLOC_009923	AMZ2P1	chr17:62962667-62971703	-0.113598	0.999791
XLOC_007620	XLOC_007620	HERC1	chr15:63900816-64126147	-0.113563	0.999791
XLOC_003911	XLOC_003911	DCPS	chr11:126173646-126225482	-0.113531	0.999791
XLOC_005324	XLOC_005324	HEBP1	chr12:13127798-13153243	-0.113463	0.999791
XLOC_018386	XLOC_018386	LOC100288198	chr6:79910961-79946517	-0.113414	0.999791
XLOC_007243	XLOC_007243	RAB8B	chr15:63481727-63559973	-0.113402	0.999791
XLOC_003327	XLOC_003327	SWAP70	chr11:9685627-9774507	-0.113401	0.999791
XLOC_018405	XLOC_018405	SLC35A1	chr6:88182642-8822057	-0.113388	0.999791
XLOC_014304	XLOC_014304	TMEM50B	chr21:34775201-34852316	-0.113371	0.999791
XLOC_021216	XLOC_021216	LRCH4	chr7:100171633-100183776	-0.113327	0.999791
XLOC_003110	XLOC_003110	LDB1	chr10:103867324-103880210	-0.113279	0.999791
XLOC_015528	XLOC_015528	SDHAP2	chr3:195384909-195415735	-0.113238	0.999791
XLOC_002347	XLOC_002347	CAMK1D	chr10:12391582-12871733	-0.113208	0.999791
XLOC_010757	XLOC_010757	WDR88	chr19:33622997-33666703	-0.113059	1
XLOC_009966	XLOC_009966	GGA3	chr17:73232693-73267311	-0.113053	0.999791
XLOC_015579	XLOC_015579	RAF1	chr3:12598512-12705700	-0.113034	0.999791
XLOC_011487	XLOC_011487	NDUFB7	chr19:14676889-14682889	-0.112997	0.999791
XLOC_021865	XLOC_021865	CTSB	chr8:11700033-11725646	-0.112975	0.999791
XLOC_012303	XLOC_012303	ZNF2	chr2:95831182-95850064	-0.112949	0.999791
XLOC_005898	XLOC_005898	KCNRG,TRIM13	chr13:50556687-50699677	-0.112798	0.999791
XLOC_003685	XLOC_003685	NADSYN1	chr11:71164216-71212581	-0.112737	0.999791
XLOC_016512	XLOC_016512	MGST2	chr4:140586921-141075233	-0.112731	0.999791
XLOC_013538	XLOC_013538	DSTN	chr20:17550598-17588652	-0.112724	0.999791
XLOC_019163	XLOC_019163	SOD2	chr6:160100148-160114353	-0.112702	0.999791
XLOC_022816	XLOC_022816	CD72	chr9:35605280-35618424	-0.112651	0.999791
XLOC_021086	XLOC_021086	GUSB	chr7:65425672-65447301	-0.112605	0.999791
XLOC_005991	XLOC_005991	ARHGEF7	chr13:111767623-111958081	-0.112465	0.999791
XLOC_021221	XLOC_021221	EPHB4	chr7:100400186-100425143	-0.112455	0.999791
XLOC_023902	XLOC_023902	ARHGEF9	chrX:62854847-63005426	-0.112437	0.999791
XLOC_014913	XLOC_014913	ARSA	chr22:51061181-51066601	-0.112391	0.999791
XLOC_010916	XLOC_010916	ZNF225	chr19:44617547-44637255	-0.112346	0.999791
XLOC_021572	XLOC_021572	POLB	chr8:42195972-42229331	-0.112168	0.999791
XLOC_004299	XLOC_004299	PPP1R14B	chr11:64011950-64014413	-0.112127	0.999791
XLOC_010805	XLOC_010805	LRFN3	chr19:36428021-36436097	-0.112089	0.999791
XLOC_004264	XLOC_004264	B3GAT3	chr11:62382767-62389647	-0.112062	0.999791
XLOC_008968	XLOC_008968	NF1	chr17:29421944-29704695	-0.11201	0.999791
XLOC_010939	XLOC_010939	BLOC1S3	chr19:45682002-45685058	-0.111978	0.999791
XLOC_004991	XLOC_004991	TMEM19	chr12:72079877-72097839	-0.111957	0.999791
XLOC_023172	XLOC_023172	AGPAT2	chr9:139567594-139581911	-0.111948	0.999791
XLOC_002434	XLOC_002434	FAM21C	chr10:46222647-46288412	-0.111905	0.999791
XLOC_013278	XLOC_013278	OSGEPL1	chr2:190611385-190627924	-0.111889	0.999791
XLOC_004450	XLOC_004450	RAB38	chr11:87846414-87908635	-0.111837	0.999791
XLOC_011525	XLOC_011525	UNC13A	chr19:17712136-17799008	-0.111792	1
XLOC_003630	XLOC_003630	CCDC85B	chr11:65657874-65659106	-0.111772	0.999791

XLOC_011619	XLOC_011619	ZNF565	chr19:36673186-36729675	-0.111675	0.999791
XLOC_021255	XLOC_021255	NAMPT	chr7:105888731-105925638	-0.111612	0.999791
XLOC_019028	XLOC_019028	SESN1	chr6:109307639-109415708	-0.111604	0.999791
XLOC_015226	XLOC_015226	TMEM45A	chr3:100211462-100296285	-0.111587	0.999791
XLOC_021783	XLOC_021783	ZNF707	chr8:144766621-144777555	-0.111587	0.999791
XLOC_023440	XLOC_023440	MSN	chrX:64887510-64961793	-0.111564	1
XLOC_010535	XLOC_010535	PNPLA6	chr19:7599037-7626653	-0.111548	0.999791
XLOC_018550	XLOC_018550	PCMT1	chr6:150070830-150132557	-0.111536	0.999791
XLOC_010973	XLOC_010973	EHD2	chr19:48216600-48246391	-0.111529	0.999791
XLOC_017782	XLOC_017782	PPIC	chr5:122359077-122372425	-0.111417	0.999791
XLOC_004353	XLOC_004353	PPP1CA	chr1:167159422-67169376	-0.111337	0.999791
XLOC_022438	XLOC_022438	FGD3	chr9:95709600-95798518	-0.111297	0.999791
XLOC_001369	XLOC_001369	PAQR7	chr1:26187974-26197744	-0.111266	0.999791
XLOC_000653	XLOC_000653	GPR89B,GPR89C	chr1:147400505-147465755	-0.111242	1
XLOC_013234	XLOC_013234	SP3	chr2:174771186-174830430	-0.111218	0.999791
XLOC_015599	XLOC_015599	RFTN1	chr3:16357351-16555222	-0.111169	1
XLOC_014313	XLOC_014313	RUNX1	chr21:36160097-36421595	-0.111161	0.999791
XLOC_005511	XLOC_005511	ITGA7	chr12:56075329-56106089	-0.111156	0.999791
XLOC_022668	XLOC_022668	TMEM141	chr9:139685776-139687769	-0.111097	0.999791
XLOC_009026	XLOC_009026	LOC100131347	chr17:37213271-37307902	-0.111076	1
XLOC_010738	XLOC_010738	ZNF254	chr19:24269975-24312654	-0.111051	0.999791
XLOC_023169	XLOC_023169	NOTCH1	chr9:139388895-139440238	-0.110973	0.999791
XLOC_022962	XLOC_022962	ZNF782	chr9:99579272-99616389	-0.110963	0.999791
XLOC_003075	XLOC_003075	MMS19	chr10:99218080-99258366	-0.110893	0.999791
XLOC_006769	XLOC_006769	RALGAPA1	chr14:36007557-36278432	-0.11087	0.999791
XLOC_008287	XLOC_008287	CDT1	chr16:88870185-88875666	-0.110847	0.999791
XLOC_020778	XLOC_020778	TRIM24	chr7:138145078-138270332	-0.11076	0.999791
XLOC_012200	XLOC_012200	B3GNT2	chr2:62423261-62451866	-0.110624	0.999791
XLOC_018163	XLOC_018163	HLA-J	chr6:29968787-30028961	-0.110577	0.999791
XLOC_013802	XLOC_013802	C20orf96	chr20:251503-271419	-0.110544	0.999791
XLOC_016634	XLOC_016634	LETM1	chr4:1813205-1857974	-0.110515	0.999791
XLOC_012600	XLOC_012600	ABI2	chr2:204193002-204296892	-0.1105	0.999791
XLOC_008813	XLOC_008813	TNK1	chr17:7284292-7307450	-0.110387	0.999791
XLOC_010478	XLOC_010478	GNA15	chr19:3136190-3163766	-0.110385	0.999791
XLOC_023459	XLOC_023459	FOXO4	chrX:70315998-70323384	-0.110354	0.999791
XLOC_005140	XLOC_005140	RNF10	chr12:120972131-121015397	-0.110351	0.999791
XLOC_017997	XLOC_017997	MGAT4B	chr5:179224597-179285840	-0.110307	0.999791
XLOC_007618	XLOC_007618	CA12	chr15:63615729-63674075	-0.110288	0.999791
XLOC_015118	XLOC_015118	CYB561D2	chr3:50384918-50391496	-0.110277	0.999791
XLOC_008803	XLOC_008803	C17orf49,RNASEK	chr17:6915735-6922973	-0.110255	0.999791
XLOC_005204	XLOC_005204	PXMP2	chr12:133264191-133281577	-0.110161	0.999791
XLOC_009588	XLOC_009588	MYO18A,TIAF1	chr17:27400527-27507407	-0.110141	0.999791
XLOC_003735	XLOC_003735	C11orf82	chr11:82612736-82645699	-0.11009	0.999791
XLOC_008808	XLOC_008808	SLC2A4	chr17:7185053-7191367	-0.110088	0.999791
XLOC_005416	XLOC_005416	MIR1291,SNORA34	chr12:49046994-49076035	-0.110025	0.999791
XLOC_008438	XLOC_008438	ABCC6	chr16:16243421-16317328	-0.109823	0.999791
XLOC_009462	XLOC_009462	ZBTB4	chr17:7362684-7387568	-0.109765	0.999791
XLOC_022570	XLOC_022570	ZNF79	chr9:130186652-130207651	-0.109756	0.999791
XLOC_010332	XLOC_010332	INO80C	chr18:33048290-33077955	-0.109715	0.999791
XLOC_015059	XLOC_015059	ZNF660	chr3:44626455-44637557	-0.109696	1
XLOC_006645	XLOC_006645	APOPT1	chr14:104029298-104057236	-0.109669	0.999791
XLOC_008340	XLOC_008340	MRPS34	chr16:1821895-1823140	-0.109667	0.999791
XLOC_016176	XLOC_016176	C4orf48	chr4:2043719-2045697	-0.109661	0.999791
XLOC_016089	XLOC_016089	CLCN2	chr3:184053716-184079439	-0.109614	0.999791
XLOC_018876	XLOC_018876	TRERF1	chr6:42192668-42419783	-0.109603	0.999791
XLOC_005247	XLOC_005247	ING4	chr12:6759703-6772308	-0.109561	0.999791
XLOC_007580	XLOC_007580	DMXL2	chr15:51739920-51914967	-0.109528	0.999791
XLOC_000926	XLOC_000926	LAMC1	chr1:182992594-183114727	-0.109505	0.999791
XLOC_022594	XLOC_022594	LOC100506100	chr9:131486740-131534213	-0.109453	0.999791
XLOC_007708	XLOC_007708	SCAPER	chr15:76640526-77176217	-0.109424	0.999791
XLOC_009455	XLOC_009455	GABARAP	chr17:7143737-7145753	-0.109392	0.999791
XLOC_014033	XLOC_014033	ZFP64	chr20:50700549-50808524	-0.109319	0.999791
XLOC_000813	XLOC_000813	SUMO1P3	chr1:160258376-160328742	-0.109301	1
XLOC_003388	XLOC_003388	QSER1	chr11:32914791-33001814	-0.109301	0.999791
XLOC_006214	XLOC_006214	EFNB2	chr13:107142078-107187388	-0.109279	0.999791
XLOC_012873	XLOC_012873	CDC42EP3	chr2:37869024-37899678	-0.109276	0.999791
XLOC_012810	XLOC_012810	HS1BP3	chr2:20817563-20850864	-0.109232	0.999791
XLOC_005215	XLOC_005215	KDM5A	chr12:389222-551806	-0.109226	0.999791
XLOC_010098	XLOC_010098	MYL12B	chr18:3262110-3278282	-0.109072	0.999791
XLOC_001587	XLOC_001587	ITGB3BP	chr1:63906440-63988944	-0.108865	0.999791
XLOC_022396	XLOC_022396	OSTF1	chr9:77703397-77762114	-0.108693	0.999791
XLOC_021275	XLOC_021275	ST7-AS1	chr7:116592500-116870075	-0.108668	0.999791
XLOC_005400	XLOC_005400	SLC38A2	chr12:46751970-46766645	-0.108595	0.999791
XLOC_014513	XLOC_014513	RNF185	chr22:31556137-31603005	-0.10859	0.999791
XLOC_008178	XLOC_008178	FAM65A	chr16:67562716-67580691	-0.108477	0.999791
XLOC_009016	XLOC_009016	SOCS7	chr17:36508006-36561846	-0.108406	0.999791
XLOC_000084	XLOC_000084	FBXO44	chr1:11708417-11723384	-0.108395	0.999791
XLOC_019143	XLOC_019143	ULBP3	chr6:150385742-150390202	-0.108307	0.999791
XLOC_016996	XLOC_016996	NEK1	chr4:170314420-170533778	-0.108294	0.999791

XLOC_014434	XLOC_014434	POM121L8P	chr22:21636713-21652015	-0.108286	1
XLOC_005031	XLOC_005031	VEZT	chr12:95611521-95696566	-0.108283	0.999791
XLOC_010726	XLOC_010726	ZNF431	chr19:21324839-21368805	-0.108255	0.999791
XLOC_005254	XLOC_005254	SCARNA12	chr12:7074514-7079916	-0.108025	0.999791
XLOC_016999	XLOC_016999	MFAP3L	chr4:170907747-170947429	-0.108001	1
XLOC_006383	XLOC_006383	PPM1A	chr14:60712469-60765805	-0.107954	0.999791
XLOC_018118	XLOC_018118	LINC00240	chr6:26924771-26991753	-0.10789	0.999791
XLOC_021234	XLOC_021234	POLR2J	chr7:102105389-102119381	-0.107858	0.999791
XLOC_007181	XLOC_007181	HYPK.SERF2	chr15:44038589-44094769	-0.107848	0.999791
XLOC_015317	XLOC_015317	SEC61A1	chr3:127771211-127790526	-0.107778	0.999791
XLOC_014760	XLOC_014760	TBC1D10A	chr22:30687978-30722955	-0.107761	0.999791
XLOC_023694	XLOC_023694	SLC6A8	chrX:152953751-152962048	-0.107758	0.999791
XLOC_011614	XLOC_011614	ALKBH6	chr19:36500021-36505141	-0.107602	0.999791
XLOC_012991	XLOC_012991	MOGS	chr2:74688183-74692537	-0.107561	0.999791
XLOC_008627	XLOC_008627	ACD	chr16:67679029-67694718	-0.107541	0.999791
XLOC_015565	XLOC_015565	EMC3	chr3:10005635-10028522	-0.107521	0.999791
XLOC_003917	XLOC_003917	BARX2	chr11:129245880-129322174	-0.107466	1
XLOC_005328	XLOC_005328	PLBD1	chr12:14656596-14720791	-0.107462	0.999791
XLOC_011160	XLOC_011160	TSEN34	chr19:54694118-54698394	-0.107419	0.999791
XLOC_002585	XLOC_002585	KIF20B	chr10:91461366-91534700	-0.107373	0.999791
XLOC_023848	XLOC_023848	KCND1	chrX:48818638-48828251	-0.10737	0.999791
XLOC_011052	XLOC_011052	SPIB	chr19:50922194-50934309	-0.107292	1
XLOC_004992	XLOC_004992	RAB21	chr12:72148657-72181150	-0.107244	0.999791
XLOC_010292	XLOC_010292	CEP76	chr18:12658737-12725739	-0.107233	0.999791
XLOC_010227	XLOC_010227	PHLPP1	chr18:60382671-60647676	-0.10723	0.999791
XLOC_011453	XLOC_011453	MAN2B1	chr19:12757321-12777591	-0.107229	0.999791
XLOC_009593	XLOC_009593	SSH2	chr17:27952964-28435470	-0.107142	0.999791
XLOC_001060	XLOC_001060	C1orf115	chr1:220863627-220872499	-0.107129	0.999791
XLOC_008324	XLOC_008324	NARFL	chr16:779768-790997	-0.107113	0.999791
XLOC_013060	XLOC_013060	TMEM131	chr2:98372800-98612354	-0.107109	0.999791
XLOC_023778	XLOC_023778	PHKA2	chrX:18908413-19002480	-0.107099	0.999791
XLOC_011730	XLOC_011730	CADM4	chr19:44126521-44143991	-0.107095	0.999791
XLOC_007203	XLOC_007203	DUT	chr15:48623620-48635570	-0.107076	0.999791
XLOC_005550	XLOC_005550	CDK4	chr12:58138783-58146230	-0.107064	0.999791
XLOC_018525	XLOC_018525	ABRACL	chr6:139349818-139364439	-0.107045	0.999791
XLOC_014629	XLOC_014629	GTSE1	chr22:46692637-46726707	-0.106877	0.999791
XLOC_012259	XLOC_012259	SEMA4F	chr2:74881354-74910981	-0.106824	0.999791
XLOC_018223	XLOC_018223	RNF5	chr6:32146161-32148570	-0.106778	0.999791
XLOC_002679	XLOC_002679	LOC100505839	chr10:105353783-105615164	-0.106768	1
XLOC_023455	XLOC_023455	RAB41	chrX:69502021-69504852	-0.106703	1
XLOC_008232	XLOC_008232	ZFP1	chr16:75182420-75206132	-0.106638	0.999791
XLOC_006497	XLOC_006497	ITPK1-AS1	chr14:93403258-93582263	-0.106599	1
XLOC_000841	XLOC_000841	C1orf226	chr1:162348695-162356608	-0.10659	0.999791
XLOC_007934	XLOC_007934	C16orf72	chr16:9185536-9213555	-0.106455	0.999791
XLOC_011368	XLOC_011368	INSR	chr19:7112265-7294011	-0.106448	0.999791
XLOC_022906	XLOC_022906	AGTPBP1	chr9:88161453-88356944	-0.106392	0.999791
XLOC_015784	XLOC_015784	ASB14	chr3:57261764-57326710	-0.106352	1
XLOC_020452	XLOC_020452	LOC646999	chr7:39649085-39651687	-0.106347	1
XLOC_022343	XLOC_022343	LOC158376	chr9:35909479-35911617	-0.106236	1
XLOC_005773	XLOC_005773	RILPL1	chr12:123955908-124018265	-0.106221	0.999791
XLOC_016863	XLOC_016863	DNAJB14	chr4:100820709-100867879	-0.106218	0.999791
XLOC_015160	XLOC_015160	ABHD6	chr3:58223258-58280461	-0.1061	0.999791
XLOC_001114	XLOC_001114	COA6	chr1:234509213-234519795	-0.106025	0.999791
XLOC_009351	XLOC_009351	SLC16A3	chr17:80186281-80197375	-0.106006	0.999791
XLOC_016213	XLOC_016213	SH3TC1	chr4:8201059-8242830	-0.105995	0.999791
XLOC_009816	XLOC_009816	HOXB4	chr17:46652868-46655743	-0.105969	0.999791
XLOC_023195	XLOC_023195	FAM166A	chr9:140135710-140142222	-0.105893	0.999791
XLOC_008040	XLOC_008040	ASPHD1	chr16:29912146-29917377	-0.105848	0.999791
XLOC_022441	XLOC_022441	WNK2	chr9:95947211-96108696	-0.105805	0.999791
XLOC_014695	XLOC_014695	THAP7	chr22:21354060-21368576	-0.105744	0.999791
XLOC_018967	XLOC_018967	PHIP	chr6:79644135-79788011	-0.105603	0.999791
XLOC_008292	XLOC_008292	CDH15	chr16:89238162-89261900	-0.105579	0.999791
XLOC_004863	XLOC_004863	TENC1	chr12:53436972-53473204	-0.10547	0.999791
XLOC_017687	XLOC_017687	GUSBP9.SMA5	chr5:69776869-69881549	-0.10545	0.999791
XLOC_019151	XLOC_019151	CNKSR3	chr6:154726432-154831753	-0.105441	0.999791
XLOC_004306	XLOC_004306	MAP4K2	chr11:64556608-64570713	-0.105432	0.999791
XLOC_004809	XLOC_004809	ANO6	chr12:45566816-45834187	-0.105126	0.999791
XLOC_021914	XLOC_021914	ENTPD4	chr8:23286664-23315244	-0.104996	0.999791
XLOC_015591	XLOC_015591	COL6A4P1	chr3:15206868-15247466	-0.104987	1
XLOC_000514	XLOC_000514	DR1	chr1:93811477-93828148	-0.10495	0.999791
XLOC_005583	XLOC_005583	PTPRB	chr12:70910631-71031220	-0.104879	1
XLOC_011641	XLOC_011641	DPF1	chr19:38701648-38720317	-0.104867	0.999791
XLOC_018194	XLOC_018194	NFKBIL1	chr6:31514627-31526606	-0.104695	0.999791
XLOC_009451	XLOC_009451	DLG4	chr17:7093209-7128586	-0.104653	0.999791
XLOC_018764	XLOC_018764	LY6G5C	chr6:31644460-31648150	-0.104648	0.999791
XLOC_004950	XLOC_004950	OS9	chr12:58087737-58115340	-0.104633	0.999791
XLOC_011184	XLOC_011184	SUV420H2	chr19:55851220-55859489	-0.10456	0.999791
XLOC_012493	XLOC_012493	CERS6	chr2:169312758-169642939	-0.104554	0.999791
XLOC_003193	XLOC_003193	EBF3	chr10:131633485-131762091	-0.104516	1

XLOC_005318	XLOC_005318	LRP6	chr12:12268960-12419811	-0.104494	0.999791
XLOC_022802	XLOC_022802	DCTN3	chr9:34613547-34620496	-0.104304	0.999791
XLOC_013378	XLOC_013378	PTPRN	chr2:220154344-220174295	-0.104292	1
XLOC_014671	XLOC_014671	DGCR2	chr22:19023794-19109967	-0.10428	0.999791
XLOC_002733	XLOC_002733	PLEKHA1	chr10:124134093-124191871	-0.104173	0.999791
XLOC_018307	XLOC_018307	KLC4	chr6:43027371-43042833	-0.104101	0.999791
XLOC_016740	XLOC_016740	USP46	chr4:53457126-53525502	-0.104067	0.999791
XLOC_005732	XLOC_005732	CIT	chr12:120123594-120315095	-0.104029	0.999791
XLOC_024157	XLOC_024157	CD99L2	chrX:149934808-150067289	-0.103922	0.999791
XLOC_015486	XLOC_015486	CHRD	chr3:184097860-184107617	-0.103913	0.999791
XLOC_006905	XLOC_006905	ANGEL1	chr14:77253585-77279283	-0.103872	0.999791
XLOC_021720	XLOC_021720	RAD21-AS1	chr8:117858172-117889107	-0.103858	1
XLOC_019083	XLOC_019083	STX7	chr6:132778662-132834337	-0.103764	0.999791
XLOC_014198	XLOC_014198	PDXK	chr21:45138977-45182188	-0.103756	0.999791
XLOC_002375	XLOC_002375	MLLT10	chr10:21823100-22032559	-0.103754	0.999791
XLOC_015088	XLOC_015088	PTPN23	chr3:47422490-47454931	-0.103685	0.999791
XLOC_016557	XLOC_016557	FNIP2	chr4:159690181-159956333	-0.103606	1
XLOC_013133	XLOC_013133	MAP3K2	chr2:128056244-128100805	-0.103597	0.999791
XLOC_022796	XLOC_022796	KIAA1161	chr9:34368906-34376894	-0.103559	0.999791
XLOC_023180	XLOC_023180	FBXW5	chr9:139834884-139839206	-0.103542	0.999791
XLOC_009863	XLOC_009863	VEZF1	chr17:56048909-56065615	-0.103539	0.999791
XLOC_004690	XLOC_004690	ATN1	chr12:7033625-7051484	-0.103522	0.999791
XLOC_009283	XLOC_009283	KIAA0195	chr17:73452663-73511627	-0.103365	0.999791
XLOC_012206	XLOC_012206	LGALS1	chr2:64681326-64688517	-0.103342	0.999791
XLOC_021964	XLOC_021964	FGFR1	chr8:38268655-38326352	-0.103304	0.999791
XLOC_018869	XLOC_018869	FRS3	chr6:41737913-41747630	-0.10329	0.999791
XLOC_002520	XLOC_002520	CHCHD1	chr10:75541807-75543406	-0.103269	0.999791
XLOC_008238	XLOC_008238	MON1B,SYCE1L	chr16:77224835-77246976	-0.103245	0.999791
XLOC_006017	XLOC_006017	ZMYM5	chr13:20397623-20437776	-0.103234	0.999791
XLOC_015558	XLOC_015558	SETD5-AS1	chr3:9430536-9439174	-0.103201	0.999791
XLOC_006951	XLOC_006951	SERPINA10	chr14:94749649-94759608	-0.103122	1
XLOC_009576	XLOC_009576	SDF2	chr17:26975373-26989207	-0.103058	0.999791
XLOC_016824	XLOC_016824	LIN54	chr4:83845755-83934040	-0.10302	0.999791
XLOC_011895	XLOC_011895	CLDND2	chr19:51870351-51872257	-0.103017	1
XLOC_021800	XLOC_021800	SLC52A2	chr8:145582216-145584948	-0.103009	0.999791
XLOC_005128	XLOC_005128	SUDS3	chr12:118814357-118855840	-0.102909	0.999791
XLOC_009328	XLOC_009328	ENDOV	chr17:78234659-78411884	-0.102879	0.999791
XLOC_004657	XLOC_004657	TSPAN9	chr12:3186520-3395730	-0.102697	0.999791
XLOC_015105	XLOC_015105	DAG1	chr3:49506135-49573051	-0.102696	0.999791
XLOC_015701	XLOC_015701	DALRD3	chr3:49044636-49060926	-0.10267	0.999791
XLOC_003813	XLOC_003813	SIK2	chr11:111473169-111637169	-0.102601	0.999791
XLOC_006768	XLOC_006768	NFKBIA	chr14:35870715-35873960	-0.102537	0.999791
XLOC_000285	XLOC_000285	MAP7D1	chr1:36621802-36646441	-0.102507	0.999791
XLOC_017081	XLOC_017081	TRIO	chr5:14143828-14509458	-0.102365	0.999791
XLOC_007159	XLOC_007159	NUSAP1	chr15:41624891-41673248	-0.10225	0.999791
XLOC_014445	XLOC_014445	LOC96610	chr22:22652462-22677324	-0.102228	0.999791
XLOC_009821	XLOC_009821	HOXB8	chr17:46689707-46692301	-0.102175	0.999791
XLOC_007829	XLOC_007829	RAB40C	chr16:639356-679273	-0.10212	0.999791
XLOC_005384	XLOC_005384	SLC2A13	chr12:40148822-40499661	-0.102116	0.999791
XLOC_023931	XLOC_023931	HDAC8	chrX:71549365-71792953	-0.102105	0.999791
XLOC_014772	XLOC_014772	SELM	chr22:31500762-31503551	-0.102074	0.999791
XLOC_001495	XLOC_001495	LEPRE1	chr1:43212005-43232755	-0.102065	0.999791
XLOC_020986	XLOC_020986	JAZF1	chr7:27870192-28280996	-0.102052	0.999791
XLOC_014839	XLOC_014839	RPS19BP1	chr22:39925097-39928860	-0.102023	0.999791
XLOC_023670	XLOC_023670	MTMR1	chrX:149861868-149933575	-0.101952	0.999791
XLOC_014500	XLOC_014500	MTMR3	chr22:30279157-30426857	-0.101895	0.999791
XLOC_003936	XLOC_003936	IFITM3	chr11:319672-320914	-0.10185	0.999791
XLOC_004245	XLOC_004245	VPS37C	chr11:60897727-60928916	-0.101844	0.999791
XLOC_010095	XLOC_010095	SMCHD1	chr18:2655885-2805015	-0.101843	0.999791
XLOC_015137	XLOC_015137	DNAH1	chr3:52350334-52434513	-0.101843	1
XLOC_001683	XLOC_001683	SLC25A24	chr1:108677343-108742980	-0.101706	0.999791
XLOC_004779	XLOC_004779	MED21	chr12:27175454-27183606	-0.101571	0.999791
XLOC_017621	XLOC_017621	RICTOR	chr5:38938021-39074501	-0.10153	0.999791
XLOC_004082	XLOC_004082	BTBD10	chr11:13409555-13484838	-0.101522	0.999791
XLOC_022293	XLOC_022293	RRAGA	chr9:19049371-19051021	-0.101475	0.999791
XLOC_018351	XLOC_018351	TMEM14A	chr6:52535883-52551385	-0.101367	0.999791
XLOC_013964	XLOC_013964	LOC388796	chr20:37049238-37064018	-0.10134	0.999791
XLOC_008016	XLOC_008016	SBK1	chr16:28303839-28335170	-0.101338	0.999791
XLOC_018177	XLOC_018177	TUBB	chr6:30688156-30693195	-0.101337	0.999791
XLOC_009745	XLOC_009745	STAT3	chr17:40465342-40540513	-0.101284	0.999791
XLOC_014938	XLOC_014938	IL17RC	chr3:9958757-9975305	-0.101283	0.999791
XLOC_009074	XLOC_009074	TUBG1	chr17:40731525-40767256	-0.101241	0.999791
XLOC_016620	XLOC_016620	ATP5I	chr4:666224-668127	-0.101235	0.999791
XLOC_014946	XLOC_014946	LINC00852	chr3:10290176-10335133	-0.101211	0.999791
XLOC_012700	XLOC_012700	PTMA	chr2:232573234-232578250	-0.101144	0.999791
XLOC_011477	XLOC_011477	RFX1	chr19:14072341-14117134	-0.101114	0.999791
XLOC_016590	XLOC_016590	WWC2	chr4:184020462-184241929	-0.101078	0.999791
XLOC_008423	XLOC_008423	TXNDC11	chr16:11762288-11836648	-0.101016	0.999791
XLOC_020726	XLOC_020726	ARF5	chr7:127228405-127231759	-0.100962	0.999791

XLOC_010115	XLOC_010115	RALBP1	chr18:9475529-9538106	-0.100905	0.999791
XLOC_022426	XLOC_022426	CKS2	chr9:91926112-91931618	-0.100887	0.999791
XLOC_016556	XLOC_016556	ETFDH	chr4:159593276-159629841	-0.100868	0.999791
XLOC_004910	XLOC_004910	BLOC1S1,RDH5	chr12:56109817-56118526	-0.100849	0.999791
XLOC_009280	XLOC_009280	MRPS7	chr17:73232693-73267311	-0.10082	0.999791
XLOC_017769	XLOC_017769	MCC	chr5:112312406-112824527	-0.10068	1
XLOC_010792	XLOC_010792	RBM42	chr19:36119979-36128587	-0.100597	0.999791
XLOC_007853	XLOC_007853	CRAMP1L	chr16:1664640-1727909	-0.100586	0.999791
XLOC_018086	XLOC_018086	LRRC16A	chr6:25279655-25620758	-0.100527	0.999791
XLOC_013175	XLOC_013175	ORC4	chr2:148602569-149271044	-0.100441	0.999791
XLOC_016896	XLOC_016896	C4orf21	chr4:113460488-113578748	-0.100402	0.999791
XLOC_020569	XLOC_020569	HSPB1	chr7:75931874-75933614	-0.100357	0.999791
XLOC_007914	XLOC_007914	NAA60	chr16:3493667-3536963	-0.100356	0.999791
XLOC_013465	XLOC_013465	STK25	chr2:242295663-242448987	-0.100348	0.999791
XLOC_017070	XLOC_017070	PAPD7	chr5:6714717-6757161	-0.100324	0.999791
XLOC_009552	XLOC_009552	ULK2	chr17:19674142-19771239	-0.10022	0.999791
XLOC_013785	XLOC_013785	ZGPAT	chr20:62289162-62367494	-0.100178	0.999791
XLOC_021237	XLOC_021237	POLR2J2,UPK3BL	chr7:102277194-102312176	-0.100168	0.999791
XLOC_006744	XLOC_006744	SDR39U1	chr14:24899140-24912007	-0.100147	0.999791
XLOC_023270	XLOC_023270	OFD1	chrX:13752831-13787480	-0.100092	0.999791
XLOC_014793	XLOC_014793	APOL4	chr22:36585175-36600879	-0.10009	1
XLOC_022215	XLOC_022215	RHPN1-AS1	chr8:144448792-144450805	-0.100036	0.999791
XLOC_002242	XLOC_002242	C1orf131	chr1:231359508-231413719	-0.100015	0.999791
XLOC_022385	XLOC_022385	FXN	chr9:71650478-71715094	-0.100009	0.999791
XLOC_015438	XLOC_015438	MYNN	chr3:169490852-169507504	-0.100003	0.999791
XLOC_023830	XLOC_023830	NDUFB11	chrX:47001614-47004609	-0.0999616	0.999791
XLOC_010683	XLOC_010683	MAP1S	chr19:17830302-17845324	-0.0998664	0.999791
XLOC_013637	XLOC_013637	RPN2	chr20:357296283-35870025	-0.0997904	0.999791
XLOC_005889	XLOC_005889	RB1	chr13:48877882-49056026	-0.0997662	0.999791
XLOC_022675	XLOC_022675	TRAF2	chr9:139780964-139821067	-0.0995836	0.999791
XLOC_001418	XLOC_001418	SPOCD1	chr1:32256024-32281580	-0.099439	0.999791
XLOC_011479	XLOC_011479	SAMD1	chr19:14199228-14201232	-0.0993448	0.999791
XLOC_009466	XLOC_009466	TP53	chr17:7571719-7606820	-0.0993261	0.999791
XLOC_003102	XLOC_003102	POLL	chr10:103338638-103348027	-0.0992986	0.999791
XLOC_022096	XLOC_022096	FSBP,RAD54B	chr8:95384187-95487343	-0.0992531	0.999791
XLOC_023044	XLOC_023044	TRAF1	chr9:123664670-123691451	-0.0991754	0.999791
XLOC_021549	XLOC_021549	PROSC	chr8:37620100-37637286	-0.0991614	0.999791
XLOC_010110	XLOC_010110	RAB12	chr18:8609442-8639380	-0.0991188	0.999791
XLOC_000187	XLOC_000187	SRRM1	chr1:24969593-24999772	-0.0990546	0.999791
XLOC_011362	XLOC_011362	GPR108	chr19:6729924-6737633	-0.0990202	0.999791
XLOC_010137	XLOC_010137	CYP4F35P	chr18:14337421-14342523	-0.0989543	1
XLOC_000131	XLOC_000131	NECAP2	chr1:16767166-16786584	-0.0989142	0.999791
XLOC_010391	XLOC_010391	PIGN	chr18:59711457-59854289	-0.0989021	0.999791
XLOC_021043	XLOC_021043	H2AFV	chr7:44866487-44887725	-0.0988684	0.999791
XLOC_007301	XLOC_007301	LOC440288	chr15:74753605-74773633	-0.098864	0.999791
XLOC_013373	XLOC_013373	CNPPD1	chr2:220036618-220041702	-0.098848	0.999791
XLOC_013953	XLOC_013953	DSN1	chr20:35380193-35402230	-0.098831	0.999791
XLOC_005669	XLOC_005669	NUAK1	chr12:106457124-106533811	-0.0987971	0.999791
XLOC_003707	XLOC_003707	MRPL48	chr11:73498916-73575656	-0.0987827	0.999791
XLOC_010297	XLOC_010297	ZNF519	chr18:14075988-14132489	-0.0987756	0.999791
XLOC_003005	XLOC_003005	CAMK2G	chr10:75572258-75634349	-0.0987163	0.999791
XLOC_015171	XLOC_015171	PSMD6-AS2	chr3:63989697-64009686	-0.0987069	1
XLOC_013476	XLOC_013476	SOX12	chr20:306214-310872	-0.0986443	0.999791
XLOC_022348	XLOC_022348	MELK	chr9:36572858-36677680	-0.0986065	0.999791
XLOC_005248	XLOC_005248	ZNF384	chr12:6775642-6798738	-0.0985623	0.999791
XLOC_002649	XLOC_002649	LZTS2	chr10:102756863-102790914	-0.0985421	0.999791
XLOC_017207	XLOC_017207	BHMT2	chr5:78365546-78385897	-0.0984026	1
XLOC_013215	XLOC_013215	TTC21B	chr2:166729871-166810348	-0.0983519	0.999791
XLOC_014735	XLOC_014735	HPS4	chr22:26846848-26879829	-0.0983495	0.999791
XLOC_002651	XLOC_002651	KAZALD1	chr10:102820998-102825351	-0.0983106	0.999791
XLOC_004892	XLOC_004892	NCKAP1L	chr12:54891494-54936899	-0.0982005	1
XLOC_011512	XLOC_011512	SLC35E1	chr19:16660647-16683193	-0.0981781	0.999791
XLOC_022631	XLOC_022631	CEL	chr9:135937364-135947250	-0.0981734	0.999791
XLOC_011425	XLOC_011425	ILF3-AS1	chr19:10762537-10764548	-0.0981675	0.999791
XLOC_011892	XLOC_011892	CTU1	chr19:51600862-51611647	-0.0981237	0.999791
XLOC_008673	XLOC_008673	GLG1	chr16:74481325-74641042	-0.0980754	0.999791
XLOC_005649	XLOC_005649	DEPDC4	chr12:100646041-100660857	-0.0980752	1
XLOC_007489	XLOC_007489	LPCAT4	chr15:34651088-34659395	-0.0980699	0.999791
XLOC_014054	XLOC_014054	ATP5E,SLMO2	chr20:57603732-57617901	-0.0980355	0.999791
XLOC_005687	XLOC_005687	KCTD10	chr12:109886459-109915155	-0.0980221	0.999791
XLOC_005149	XLOC_005149	ORAI1	chr12:122064454-122079946	-0.0979674	0.999791
XLOC_000263	XLOC_000263	KIAA1522	chr1:33207511-33240571	-0.0979628	0.999791
XLOC_024178	XLOC_024178	IDH3G	chrX:153051220-153063967	-0.0977747	0.999791
XLOC_008021	XLOC_008021	SH2B1	chr16:28875077-28885534	-0.0977721	0.999791
XLOC_006875	XLOC_006875	ADAM21P1	chr14:70712469-70714518	-0.0976987	1
XLOC_022383	XLOC_022383	PIP5K1B	chr9:71320615-71624091	-0.0976741	1
XLOC_016280	XLOC_016280	FAM114A1	chr4:38869353-38947365	-0.0976622	0.999791
XLOC_001381	XLOC_001381	FAM46B	chr1:27331510-27339333	-0.0976491	0.999791
XLOC_003625	XLOC_003625	KAT5	chr11:65479472-65488409	-0.0976077	0.999791

XLOC_009944	XLOC_009944	FAM104A	chr17:71189172-71228533	-0.0975825	0.999791
XLOC_015241	XLOC_015241	BBX	chr3:107241782-107530176	-0.0975407	0.999791
XLOC_014230	XLOC_014230	PRMT2	chr21:48055506-48085155	-0.0975248	0.999791
XLOC_011376	XLOC_011376	FLJ22184	chr19:7933604-7939326	-0.0974995	0.999791
XLOC_003098	XLOC_003098	MRPL43	chr10:102732285-102747272	-0.0974856	0.999791
XLOC_021328	XLOC_021328	C7orf49	chr7:134832765-134855578	-0.097438	0.999791
XLOC_006987	XLOC_006987	PPP1R13B	chr14:104200087-104313927	-0.0973479	0.999791
XLOC_015920	XLOC_015920	OSBPL11	chr3:125247701-125314381	-0.0973133	0.999791
XLOC_014252	XLOC_014252	ATP5J	chr21:27096790-27144771	-0.0972048	0.999791
XLOC_003265	XLOC_003265	STIM1	chr11:3876932-4114440	-0.097114	0.999791
XLOC_005116	XLOC_005116	CCDC42B	chr12:113587662-113623284	-0.0971136	1
XLOC_012097	XLOC_012097	ATRAID	chr2:27242454-27440046	-0.0970936	0.999791
XLOC_004935	XLOC_004935	NAB2	chr12:57482676-57505196	-0.0970432	0.999791
XLOC_003731	XLOC_003731	AQP11	chr11:77300679-77321401	-0.0970127	0.999791
XLOC_003722	XLOC_003722	DGAT2	chr11:75479777-75512581	-0.0969627	0.999791
XLOC_013766	XLOC_013766	MRGBP	chr20:61427804-61431945	-0.0968278	0.999791
XLOC_000936	XLOC_000936	C1orf27	chr1:185703682-186446655	-0.0968259	0.999791
XLOC_018276	XLOC_018276	RNF8	chr6:37321747-37362514	-0.0967991	0.999791
XLOC_001321	XLOC_001321	AKR7A2	chr1:19629201-19638640	-0.0967948	0.999791
XLOC_017777	XLOC_017777	ATG12	chr5:115163893-115177548	-0.0966896	0.999791
XLOC_006856	XLOC_006856	RAB15	chr14:65381078-65569413	-0.0966077	0.999791
XLOC_002783	XLOC_002783	DIP2C	chr10:320129-735608	-0.0965812	0.999791
XLOC_010993	XLOC_010993	GRIN2D	chr19:48898131-48948188	-0.0965686	0.999791
XLOC_000306	XLOC_000306	ZMPSTE24	chr1:40723721-40759856	-0.0964513	0.999791
XLOC_001401	XLOC_001401	SRSF4	chr1:29474249-29508637	-0.0964306	0.999791
XLOC_021982	XLOC_021982	CEBPD	chr8:48649475-48650726	-0.0963572	0.999791
XLOC_007406	XLOC_007406	FURIN	chr15:91411884-91426687	-0.0963551	0.999791
XLOC_005962	XLOC_005962	RAP2A	chr13:98086474-98120252	-0.0962446	0.999791
XLOC_022466	XLOC_022466	TDRD7	chr9:100174301-100258405	-0.0961628	0.999791
XLOC_006693	XLOC_006693	ZNF219	chr14:21558204-21572863	-0.0961254	0.999791
XLOC_014155	XLOC_014155	SMIM11	chr21:35747748-35761452	-0.0960311	0.999791
XLOC_023201	XLOC_023201	PNPLA7	chr9:140354404-140444986	-0.0959403	0.999791
XLOC_001441	XLOC_001441	KIAA0319L	chr1:35899090-36023037	-0.0958906	0.999791
XLOC_014796	XLOC_014796	TXN2	chr22:36863092-36877687	-0.0958476	0.999791
XLOC_013166	XLOC_013166	ZRANB3	chr2:135957573-136288806	-0.095784	0.999791
XLOC_002100	XLOC_002100	DDX59	chr1:200613164-200639126	-0.0957726	0.999791
XLOC_000981	XLOC_000981	TMEM183A	chr1:202976533-202993197	-0.0957609	0.999791
XLOC_022325	XLOC_022325	GALT	chr9:34646585-34650595	-0.0957543	0.999791
XLOC_008222	XLOC_008222	ATXN1L	chr16:71879893-71891236	-0.0957384	0.999791
XLOC_023713	XLOC_023713	PLXNA3	chrX:153686622-153701985	-0.0957111	0.999791
XLOC_012517	XLOC_012517	RAPGEF4	chr2:173587917-173917620	-0.0956028	1
XLOC_007820	XLOC_007820	NME4	chr16:447191-450754	-0.0955754	0.999791
XLOC_023128	XLOC_023128	TSC1	chr9:135766734-135820020	-0.0955355	0.999791
XLOC_022467	XLOC_022467	TMOD1	chr9:100263461-100436029	-0.0955083	0.999791
XLOC_017957	XLOC_017957	BOD1	chr5:173034147-173043666	-0.0954116	0.999791
XLOC_018975	XLOC_018975	PGM3	chr6:83777384-83906256	-0.0954063	0.999791
XLOC_016809	XLOC_016809	CNOT6L	chr4:78634540-78740544	-0.095402	0.999791
XLOC_007831	XLOC_007831	FAM195A	chr16:691848-698474	-0.0953879	0.999791
XLOC_016325	XLOC_016325	EXOC1	chr4:56719815-56771244	-0.0953847	0.999791
XLOC_015378	XLOC_015378	PLS1	chr3:142315228-142432505	-0.0952693	0.999791
XLOC_002399	XLOC_002399	PTCHD3P1	chr10:29698500-29711299	-0.0952576	0.999791
XLOC_020839	XLOC_020839	ZNF212	chr7:148936741-148952700	-0.0951602	0.999791
XLOC_007782	XLOC_007782	HDDC3	chr15:91473409-91497323	-0.0951305	0.999791
XLOC_014322	XLOC_014322	DSCR3	chr21:38595725-38639833	-0.0950846	0.999791
XLOC_012841	XLOC_012841	GTF3C2	chr2:27548715-27579901	-0.0950592	0.999791
XLOC_011706	XLOC_011706	PAFAH1B3	chr19:42801184-42814973	-0.0950514	0.999791
XLOC_013617	XLOC_013617	DYNLRB1	chr20:33104203-33128762	-0.0950395	0.999791
XLOC_004638	XLOC_004638	B3GAT1	chr11:134248397-134281812	-0.0950357	0.999791
XLOC_008757	XLOC_008757	SGSM2	chr17:2240805-2284348	-0.0949343	0.999791
XLOC_008118	XLOC_008118	MT2A	chr16:56642477-56643409	-0.0949255	0.999791
XLOC_003210	XLOC_003210	SPRN	chr10:135207620-135238121	-0.0949084	0.999791
XLOC_021462	XLOC_021462	MTMR9	chr8:11141999-11185654	-0.0948938	0.999791
XLOC_007880	XLOC_007880	CCNF	chr16:2479394-2508859	-0.0948407	0.999791
XLOC_008354	XLOC_008354	NTHL1	chr16:2089815-2097867	-0.0947014	0.999791
XLOC_022503	XLOC_022503	ZNF483	chr9:114287446-114362135	-0.0946433	1
XLOC_010594	XLOC_010594	LPPR2	chr19:11466061-11476374	-0.0946321	0.999791
XLOC_013065	XLOC_013065	MITD1	chr2:99785725-99797492	-0.0946306	0.999791
XLOC_010703	XLOC_010703	C19orf60	chr19:18699494-18703147	-0.0945888	0.999791
XLOC_013796	XLOC_013796	TCEA2	chr20:62688438-62703700	-0.0945416	1
XLOC_014678	XLOC_014678	UFD1L	chr22:19437463-19466738	-0.0945205	0.999791
XLOC_018161	XLOC_018161	HLA-A	chr6:29910246-29913661	-0.0944817	0.999791
XLOC_013638	XLOC_013638	MANBAL	chr20:35918050-35945663	-0.0944813	0.999791
XLOC_012254	XLOC_012254	TTC31	chr2:74699084-74721691	-0.0944787	0.999791
XLOC_006706	XLOC_006706	DAD1	chr14:23033806-23058143	-0.0944447	0.999791
XLOC_005973	XLOC_005973	PCCA	chr13:100741268-101241046	-0.0944303	0.999791
XLOC_008662	XLOC_008662	PHLPP2	chr16:71678851-71748704	-0.0943952	0.999791
XLOC_006863	XLOC_006863	PIGH	chr14:68000007-68067017	-0.0943636	0.999791
XLOC_017605	XLOC_017605	AGXT2	chr5:34998205-35048240	-0.0943535	1
XLOC_015930	XLOC_015930	TPRA1	chr3:127291906-127309602	-0.0943524	0.999791

XLOC_005713	XLOC_005713	SLC24A6	chr12:113736570-113772925	-0.0943469	0.999791
XLOC_010263	XLOC_010263	ADNP2	chr18:77866914-77898228	-0.0943361	0.999791
XLOC_018375	XLOC_018375	OGFRL1	chr6:71998476-72011973	-0.0943346	0.999791
XLOC_002044	XLOC_002044	KIAA0040	chr1:175126122-175162229	-0.0942981	0.999791
XLOC_004317	XLOC_004317	CDCA5	chr1:164844926-64851615	-0.0942777	0.999791
XLOC_001702	XLOC_001702	LAMTOR5	chr1:110943876-110950546	-0.0941555	0.999791
XLOC_007617	XLOC_007617	RPS27L	chr15:63445538-63449741	-0.0941429	0.999791
XLOC_004430	XLOC_004430	KCTD21	chr11:77882297-77899664	-0.0940925	0.999791
XLOC_000850	XLOC_000850	MGST3	chr1:165600109-165625372	-0.0940565	0.999791
XLOC_020376	XLOC_020376	SCIN	chr7:12610202-12693228	-0.0940113	1
XLOC_003413	XLOC_003413	HSD17B12	chr11:43702142-43878169	-0.0939859	0.999791
XLOC_013305	XLOC_013305	PPIL3	chr2:201735678-201753849	-0.0939458	0.999791
XLOC_004719	XLOC_004719	CLEC2D	chr12:9822303-9852151	-0.0939272	0.999791
XLOC_020332	XLOC_020332	GET4	chr7:916190-936071	-0.0938779	0.999791
XLOC_016598	XLOC_016598	SNX25	chr4:186131283-186300152	-0.0938643	0.999791
XLOC_000366	XLOC_000366	MAST2	chr1:46269284-46501796	-0.0938495	0.999791
XLOC_012184	XLOC_012184	SPTBN1	chr2:54683453-54898583	-0.0938393	0.999791
XLOC_015005	XLOC_015005	CRTAP	chr3:33155449-33189265	-0.0937822	0.999791
XLOC_003769	XLOC_003769	ANKRD49	chr11:94227152-94232744	-0.0936892	0.999791
XLOC_010308	XLOC_010308	NPC1	chr18:21083433-21166581	-0.09368	0.999791
XLOC_015761	XLOC_015761	PBRM1	chr3:52579367-52719866	-0.0936601	0.999791
XLOC_014926	XLOC_014926	LMCD1	chr3:8543510-8609806	-0.0936596	1
XLOC_022686	XLOC_022686	SSNA1	chr9:140069235-140084822	-0.09357	0.999791
XLOC_006852	XLOC_006852	TEX21P	chr14:64812190-64814329	-0.0934437	1
XLOC_005568	XLOC_005568	LLPH	chr12:66516848-66524533	-0.0933854	0.999791
XLOC_014902	XLOC_014902	HDAC10	chr22:50683612-50689834	-0.0933441	0.999791
XLOC_011380	XLOC_011380	ELAVL1	chr19:8023456-8070529	-0.0932773	0.999791
XLOC_001901	XLOC_001901	SSR2	chr1:155978838-155990758	-0.0932673	0.999791
XLOC_015852	XLOC_015852	CBLB	chr3:105377108-105587887	-0.0931858	0.999791
XLOC_015252	XLOC_015252	ABHD10	chr3:111697722-111712215	-0.0931831	0.999791
XLOC_013694	XLOC_013694	CTSA	chr20:44517110-44541003	-0.0931617	0.999791
XLOC_008931	XLOC_008931	TMEM97	chr17:26646120-26662515	-0.0930829	0.999791
XLOC_010220	XLOC_010220	SEC11C	chr18:56807124-56826063	-0.0930771	0.999791
XLOC_009761	XLOC_009761	ETV4	chr17:41605210-41623800	-0.0930707	0.999791
XLOC_011282	XLOC_011282	TCF3	chr19:1609288-1652328	-0.0930201	0.999791
XLOC_016532	XLOC_016532	DCLK2	chr4:150999425-1511178608	-0.0929043	0.999791
XLOC_011038	XLOC_011038	CPT1C	chr19:50194364-50216988	-0.0928478	0.999791
XLOC_010193	XLOC_010193	CTIF	chr18:46065426-46389586	-0.0928128	0.999791
XLOC_011455	XLOC_011455	DHPS	chr19:12777617-12792701	-0.0927848	0.999791
XLOC_011761	XLOC_011761	SNRPD2	chr19:46190711-46195443	-0.0927773	0.999791
XLOC_022494	XLOC_022494	FKTN	chr9:108320410-108403399	-0.0927725	0.999791
XLOC_015318	XLOC_015318	EEFSEC	chr3:127872312-128127489	-0.0927384	0.999791
XLOC_002479	XLOC_002479	REEP3	chr10:65281122-65384883	-0.0927255	0.999791
XLOC_003912	XLOC_003912	ST3GAL4	chr11:126225539-126284536	-0.0926979	0.999791
XLOC_001316	XLOC_001316	UBR4	chr1:19400999-19536746	-0.0926499	0.999791
XLOC_003020	XLOC_003020	ANXA11	chr10:81914879-81965328	-0.0926443	0.999791
XLOC_008773	XLOC_008773	ARRB2	chr17:4613788-4624795	-0.0925685	0.999791
XLOC_004446	XLOC_004446	PICALM	chr11:85668213-85780923	-0.0925509	0.999791
XLOC_005226	XLOC_005226	NRIP2	chr12:2934513-2944221	-0.0925041	1
XLOC_012811	XLOC_012811	C2orf43	chr2:20884817-21022827	-0.0924263	0.999791
XLOC_023084	XLOC_023084	SH2D3C	chr9:130500595-130541048	-0.0924047	1
XLOC_006272	XLOC_006272	TOX4	chr14:21945334-21979457	-0.0924003	0.999791
XLOC_005570	XLOC_005570	GRIP1	chr12:66741210-67072925	-0.0923144	0.999791
XLOC_000931	XLOC_000931	C1orf21	chr1:184356149-184598155	-0.0922933	0.999791
XLOC_023583	XLOC_023583	DOCK11	chrX:117629871-117820123	-0.0922605	0.999791
XLOC_022819	XLOC_022819	ARHGEF39	chr9:35658286-35665278	-0.0921996	0.999791
XLOC_015255	XLOC_015255	C3orf52	chr3:111805181-111837073	-0.0921766	0.999791
XLOC_014373	XLOC_014373	PTTG1IP	chr21:46269499-46293818	-0.0921749	0.999791
XLOC_012665	XLOC_012665	GMPPA	chr2:220363586-220371718	-0.0921555	0.999791
XLOC_006122	XLOC_006122	CAB39L	chr13:49882785-50018221	-0.0921455	0.999791
XLOC_023284	XLOC_023284	SCML1	chrX:17755591-17773105	-0.0921337	0.999791
XLOC_015065	XLOC_015065	TMEM42	chr3:44903379-44907154	-0.0920969	0.999791
XLOC_006498	XLOC_006498	TMEM251	chr14:93651295-93653431	-0.0919849	0.999791
XLOC_015258	XLOC_015258	SLC35A5	chr3:112280856-112303284	-0.0919174	0.999791
XLOC_011004	XLOC_011004	NUCB1	chr19:49403306-49426540	-0.0918755	0.999791
XLOC_007409	XLOC_007409	UNC45A	chr15:91473409-91497323	-0.0918625	0.999791
XLOC_018968	XLOC_018968	HMGN3	chr6:79910961-79946517	-0.0918256	0.999791
XLOC_017702	XLOC_017702	POCS	chr5:74970023-75013313	-0.0917884	0.999791
XLOC_011969	XLOC_011969	TMEM238	chr19:55890611-55895627	-0.0917726	0.999791
XLOC_001718	XLOC_001718	RHOC	chr1:113243748-113250025	-0.0917625	0.999791
XLOC_004676	XLOC_004676	GAPDH	chr12:6643584-6647537	-0.0917592	0.999791
XLOC_011183	XLOC_011183	BRSK1	chr19:55795533-55823903	-0.0916121	0.999791
XLOC_005178	XLOC_005178	BRI3BP	chr12:125478193-125510349	-0.0914596	0.999791
XLOC_002280	XLOC_002280	HNRNPU-AS1	chr1:244998638-245010243	-0.0914305	0.999791
XLOC_023639	XLOC_023639	CD40LG	chrX:135730335-135742549	-0.0914	1
XLOC_008303	XLOC_008303	SPIRE2	chr16:89894906-89937727	-0.0913947	0.999791
XLOC_016834	XLOC_016834	C4orf36	chr4:87797357-87813575	-0.0913179	1
XLOC_014797	XLOC_014797	FOXRED2	chr22:36883232-36903148	-0.0911705	0.999791
XLOC_014717	XLOC_014717	VPREB3	chr22:24094929-24096630	-0.0911684	0.999791

XLOC_016137	XLOC_016137	TNK2	chr3:195590235-195635880	-0.0910746	0.999791
XLOC_003705	XLOC_003705	RELT	chr11:73087404-73108519	-0.0910454	0.999791
XLOC_021802	XLOC_021802	KIFC2	chr8:145691737-145701718	-0.0910199	0.999791
XLOC_017529	XLOC_017529	CANX	chr5:179125929-179158639	-0.0910143	0.999791
XLOC_002176	XLOC_002176	BATF3	chr1:212859758-212873327	-0.0910134	0.999791
XLOC_019184	XLOC_019184	MPC1	chr6:166778407-166796501	-0.0909581	0.999791
XLOC_014450	XLOC_014450	GNAZ	chr22:23401592-23484241	-0.0908984	0.999791
XLOC_004838	XLOC_004838	ASIC1	chr12:50451419-50477405	-0.0908919	0.999791
XLOC_007769	XLOC_007769	POLG	chr15:89787193-89878026	-0.0908559	0.999791
XLOC_008234	XLOC_008234	GABARAPL2	chr16:75600248-75611779	-0.0908526	0.999791
XLOC_001033	XLOC_001033	TRAF5	chr1:211499956-211548286	-0.0907885	0.999791
XLOC_021212	XLOC_021212	PPP1R35	chr7:100032911-100034094	-0.0907725	0.999791
XLOC_000221	XLOC_000221	FAM76A	chr1:28052489-28089423	-0.0907622	0.999791
XLOC_020343	XLOC_020343	CHST12	chr7:2443194-2474216	-0.090759	0.999791
XLOC_021715	XLOC_021715	ENY2	chr8:110346551-110358189	-0.0907442	0.999791
XLOC_007134	XLOC_007134	FAM98B	chr15:38746327-38777063	-0.0907329	0.999791
XLOC_005688	XLOC_005688	MMAB	chr12:109991520-110011358	-0.0906914	0.999791
XLOC_009270	XLOC_009270	SLC9A3R1	chr17:72744750-72765499	-0.0906763	0.999791
XLOC_002351	XLOC_002351	MCM10	chr10:13203553-13253104	-0.0906637	0.999791
XLOC_003927	XLOC_003927	VPS26B	chr11:134094560-134117686	-0.090644	0.999791
XLOC_020923	XLOC_020923	CYTH3	chr7:6201411-6312242	-0.0905869	0.999791
XLOC_011742	XLOC_011742	ZNF229	chr19:44930425-44952665	-0.0905607	1
XLOC_006331	XLOC_006331	GEMIN2	chr14:39583487-39606177	-0.0905383	0.999791
XLOC_022045	XLOC_022045	STAU2	chr8:74332308-74659943	-0.0904844	0.999791
XLOC_016424	XLOC_016424	HERC6	chr4:89298980-89364249	-0.0904643	0.999791
XLOC_000562	XLOC_000562	CELSR2	chr1:109792640-109818378	-0.0904404	0.999791
XLOC_009574	XLOC_009574	SGK494	chr17:26926150-26972177	-0.090433	0.999791
XLOC_007198	XLOC_007198	SQRDL	chr15:45923345-45983492	-0.0904078	0.999791
XLOC_006117	XLOC_006117	MED4	chr13:48649863-48669277	-0.0903214	0.999791
XLOC_012872	XLOC_012872	PRKD3	chr2:37477645-37544222	-0.0902844	0.999791
XLOC_013484	XLOC_013484	SNPH	chr20:1246959-1289971	-0.0901883	0.999791
XLOC_017421	XLOC_017421	HMGXB3	chr5:149372685-149432706	-0.0901148	0.999791
XLOC_012328	XLOC_012328	LIPT1	chr2:99771417-99779613	-0.090104	0.999791
XLOC_004918	XLOC_004918	IKZF4	chr12:56414688-56432219	-0.090079	0.999791
XLOC_007228	XLOC_007228	GCOM1,MYZAP,POLR2M	chr15:57884101-58009755	-0.0900537	0.999791
XLOC_002518	XLOC_002518	SEC24C	chr10:75504130-75531933	-0.090039	0.999791
XLOC_002934	XLOC_002934	AGAP8	chr10:51026324-51371331	-0.0899635	0.999791
XLOC_015922	XLOC_015922	ALG1L	chr3:125635443-125655887	-0.0899616	0.999791
XLOC_020435	XLOC_020435	ZNRF2P1	chr7:32767561-32769595	-0.0899366	0.999791
XLOC_020958	XLOC_020958	TOMM7	chr7:22852250-22862471	-0.0899309	0.999791
XLOC_021210	XLOC_021210	PMS2P1	chr7:99905324-99965454	-0.0899008	0.999791
XLOC_012996	XLOC_012996	AUP1	chr2:74753774-74784678	-0.0898963	0.999791
XLOC_014031	XLOC_014031	ATP9A	chr20:50213313-50384908	-0.089829	0.999791
XLOC_016482	XLOC_016482	METT14	chr4:119606573-119632077	-0.0897655	0.999791
XLOC_007871	XLOC_007871	RAB26	chr16:2198650-2204141	-0.0897281	0.999791
XLOC_013303	XLOC_013303	LOC100507140	chr2:201560445-201658941	-0.0896916	1
XLOC_003576	XLOC_003576	MARK2	chr1:63606399-63678492	-0.0896612	0.999791
XLOC_002371	XLOC_002371	ARL5B	chr10:18948312-18966940	-0.0896177	0.999791
XLOC_019109	XLOC_019109	PERP	chr6:138409641-138428660	-0.0896114	0.999791
XLOC_020838	XLOC_020838	ZNF282	chr7:148892576-148923339	-0.0895895	0.999791
XLOC_022035	XLOC_022035	NCOA2	chr8:71024266-71316020	-0.089569	1
XLOC_020690	XLOC_020690	HBP1	chr7:106809405-107218968	-0.0895283	0.999791
XLOC_006950	XLOC_006950	IFI27L2	chr14:94594117-94595957	-0.089491	0.999791
XLOC_005599	XLOC_005599	PAWR	chr12:79985744-80084790	-0.0894635	0.999791
XLOC_006037	XLOC_006037	CENPJ	chr13:25456411-25497027	-0.089453	0.999791
XLOC_001726	XLOC_001726	AP4B1	chr1:114356432-114447741	-0.0894333	0.999791
XLOC_006227	XLOC_006227	MCF2L-AS1	chr13:113621797-113622952	-0.0894099	0.999791
XLOC_001890	XLOC_001890	CLK2	chr1:155232658-155243281	-0.0893661	0.999791
XLOC_005070	XLOC_005070	C12orf45	chr12:105380097-105388505	-0.0893379	0.999791
XLOC_015462	XLOC_015462	FXR1	chr3:180630233-180700539	-0.0893368	0.999791
XLOC_015705	XLOC_015705	QRICH1	chr3:49067141-49131504	-0.0893277	0.999791
XLOC_024017	XLOC_024017	AMMECR1	chrX:109437413-109699562	-0.0892951	0.999791
XLOC_012165	XLOC_012165	EPAS1	chr2:46524540-46613842	-0.0892886	0.999791
XLOC_001746	XLOC_001746	WARS2	chr1:119573838-119683295	-0.0892724	0.999791
XLOC_016503	XLOC_016503	LARP1B	chr4:128982502-129132289	-0.0892555	0.999791
XLOC_013486	XLOC_013486	SIRPA	chr20:1874812-1920540	-0.089196	0.999791
XLOC_001545	XLOC_001545	RAB3B	chr1:52373627-52456436	-0.0891616	0.999791
XLOC_003406	XLOC_003406	PRR5L	chr11:36317724-36486754	-0.0891005	0.999791
XLOC_006933	XLOC_006933	CCDC88C	chr14:91737666-91884188	-0.0890965	0.999791
XLOC_017096	XLOC_017096	NPR3	chr5:32710742-32791830	-0.0890493	1
XLOC_002210	XLOC_002210	TMEM63A	chr1:225997796-226070420	-0.0890468	0.999791
XLOC_010217	XLOC_010217	MALT1	chr18:56338617-56417370	-0.0890066	0.999791
XLOC_009814	XLOC_009814	HOXB2	chr17:46620018-46622393	-0.0888844	0.999791
XLOC_007699	XLOC_007699	SNUPN	chr15:75890423-75918719	-0.0887045	0.999791
XLOC_015264	XLOC_015264	ATP6V1A	chr3:113465865-113530905	-0.0886743	0.999791
XLOC_013868	XLOC_013868	RRBP1	chr20:17594322-17662928	-0.0886645	0.999791
XLOC_000397	XLOC_000397	ZYG11B	chr1:53192130-53293013	-0.0886649	0.999791
XLOC_002580	XLOC_002580	IFIT2	chr10:91061705-91069033	-0.0885978	1
XLOC_022157	XLOC_022157	DERL1	chr8:124025403-124054663	-0.0885612	0.999791

XLOC_010562	XLOC_010562	ZNF177,ZNF559,ZNF559-ZNF177	chr19:9434447-9493293	-0.0884413	0.999791
XLOC_005692	XLOC_005692	GIT2	chr12:110367606-110434194	-0.0884296	0.999791
XLOC_010564	XLOC_010564	UBL5	chr19:9938555-9940797	-0.0883294	0.999791
XLOC_018813	XLOC_018813	DAXX	chr6:33286334-33290793	-0.0882806	0.999791
XLOC_008780	XLOC_008780	MINK1	chr17:4736634-4806369	-0.0882746	0.999791
XLOC_018091	XLOC_018091	TRIM38	chr6:25962916-25987557	-0.088264	0.999791
XLOC_010215	XLOC_010215	NEDD4L	chr18:55711609-56068772	-0.0882582	0.999791
XLOC_023204	XLOC_023204	C9orf37	chr9:140500095-140513308	-0.0882461	0.999791
XLOC_015494	XLOC_015494	DNAJB11	chr3:186288466-186303589	-0.0882077	0.999791
XLOC_007780	XLOC_007780	CIB1	chr15:90773476-90777279	-0.0881649	0.999791
XLOC_012237	XLOC_012237	SPR	chr2:73114511-73119289	-0.0881116	0.999791
XLOC_023795	XLOC_023795	KLHL15	chrX:24001832-24045303	-0.088098	0.999791
XLOC_021603	XLOC_021603	RAB2A	chr8:61429468-61536203	-0.0880757	0.999791
XLOC_023394	XLOC_023394	CLCN5	chrX:49687224-49683892	-0.0880688	0.999791
XLOC_004070	XLOC_004070	MTRNR2L8	chr11:10529433-10530723	-0.0880648	0.999791
XLOC_015721	XLOC_015721	IP6K1	chr3:49761727-49823973	-0.0879729	0.999791
XLOC_011015	XLOC_011015	TRPM4	chr19:49661015-49715098	-0.0879193	0.999791
XLOC_017488	XLOC_017488	BNIP1	chr5:172571444-172591390	-0.0878664	0.999791
XLOC_005632	XLOC_005632	NDUFA12	chr12:95365103-95397489	-0.0878503	0.999791
XLOC_015688	XLOC_015688	SHISA5	chr3:48509196-48542259	-0.087847	0.999791
XLOC_005891	XLOC_005891	FNDC3A	chr13:49550047-49783915	-0.0876535	0.999791
XLOC_022485	XLOC_022485	SMC2	chr9:106856540-106903700	-0.0875868	0.999791
XLOC_019023	XLOC_019023	PDSS2	chr6:107473760-107780779	-0.0875851	0.999791
XLOC_007151	XLOC_007151	C15orf62	chr15:41060066-41106767	-0.0875589	1
XLOC_009423	XLOC_009423	SPAG7	chr17:4862520-4871132	-0.087552	0.999791
XLOC_006878	XLOC_006878	ADAM20	chr14:70989077-71001732	-0.0874916	1
XLOC_017300	XLOC_017300	ISOC1	chr5:128430441-128449719	-0.0874844	0.999791
XLOC_008050	XLOC_008050	ZNF48	chr16:30389453-30411429	-0.0874796	0.999791
XLOC_016085	XLOC_016085	PARL	chr3:183547172-183602693	-0.0873017	0.999791
XLOC_014579	XLOC_014579	SGSM3	chr22:40766594-41032690	-0.0872658	0.999791
XLOC_017230	XLOC_017230	TMEM161B-AS1	chr5:87564698-87732491	-0.0872634	0.999791
XLOC_018963	XLOC_018963	TMEM30A	chr6:75962637-75994632	-0.0871422	0.999791
XLOC_005788	XLOC_005788	STX2	chr12:131274144-131323819	-0.0871377	0.999791
XLOC_021553	XLOC_021553	BAG4	chr8:38020838-38070819	-0.0871297	0.999791
XLOC_018582	XLOC_018582	MRPL18	chr6:160211491-160219461	-0.087106	0.999791
XLOC_016663	XLOC_016663	ABLIM2	chr4:7967036-8160559	-0.087104	0.999791
XLOC_009477	XLOC_009477	C17orf59	chr17:8091650-8093564	-0.0870663	0.999791
XLOC_011297	XLOC_011297	LSM7	chr19:2321519-2328614	-0.0870596	0.999791
XLOC_022639	XLOC_022639	C9orf96	chr9:136243283-136324508	-0.0870595	1
XLOC_001664	XLOC_001664	CNN3	chr1:953262506-95392735	-0.0869932	0.999791
XLOC_009639	XLOC_009639	MYO19	chr17:34842472-34891305	-0.0869389	0.999791
XLOC_007779	XLOC_007779	IDH2	chr15:90627211-90645708	-0.086931	0.999791
XLOC_012279	XLOC_012279	USP39	chr2:85829964-85876407	-0.0869115	0.999791
XLOC_004655	XLOC_004655	TULP3	chr12:3000032-3050306	-0.0868304	0.999791
XLOC_023689	XLOC_023689	ZNF275	chrX:152599612-152618384	-0.0867897	0.999791
XLOC_000533	XLOC_000533	TRMT13	chr1:100598705-100643829	-0.0867651	0.999791
XLOC_019188	XLOC_019188	RNASET2	chr6:167343003-167370077	-0.0867535	0.999791
XLOC_013782	XLOC_013782	PPDPF	chr20:62152132-62153524	-0.0867514	0.999791
XLOC_019034	XLOC_019034	WASF1	chr6:110421021-110501207	-0.08669	0.999791
XLOC_020932	XLOC_020932	RPA3	chr7:7676574-7918851	-0.0866739	0.999791
XLOC_003774	XLOC_003774	KDM4D	chr11:94706844-94732676	-0.0866435	0.999791
XLOC_013619	XLOC_013619	TP53INP2	chr20:33292147-33301237	-0.0866288	0.999791
XLOC_009108	XLOC_009108	DBF4B	chr17:42785975-42829636	-0.0866184	0.999791
XLOC_003109	XLOC_003109	C10orf76	chr10:103605355-103815932	-0.0866106	0.999791
XLOC_018974	XLOC_018974	UBE3D	chr6:83602185-83775545	-0.0865736	0.999791
XLOC_015781	XLOC_015781	ARHGEF3	chr3:56761445-57113336	-0.0864883	0.999791
XLOC_005448	XLOC_005448	SLC11A2	chr12:51373565-51422058	-0.0864831	0.999791
XLOC_011676	XLOC_011676	AKT2	chr19:40736223-40791302	-0.0864601	0.999791
XLOC_005637	XLOC_005637	CCDC38	chr12:96260825-96336428	-0.086459	1
XLOC_018811	XLOC_018811	RGL2	chr6:33259430-33267165	-0.0864351	0.999791
XLOC_008321	XLOC_008321	WDR24	chr16:734701-740400	-0.0864261	0.999791
XLOC_017604	XLOC_017604	RAD1	chr5:34905365-34915780	-0.0864071	0.999791
XLOC_021349	XLOC_021349	MKRN1	chr7:140152839-140179369	-0.086345	0.999791
XLOC_000491	XLOC_000491	SH3GLB1	chr1:87170252-87213867	-0.086338	0.999791
XLOC_009757	XLOC_009757	VAT1	chr17:41166621-41174459	-0.0863293	0.999791
XLOC_021762	XLOC_021762	CHRAC1	chr8:141521396-141527252	-0.0863157	0.999791
XLOC_002498	XLOC_002498	C10orf35	chr10:71390002-71393355	-0.0863142	0.999791
XLOC_012449	XLOC_012449	R3HDM1	chr2:136289082-136482839	-0.0862991	0.999791
XLOC_013194	XLOC_013194	WDSUB1	chr2:160092303-160143236	-0.0862711	0.999791
XLOC_018450	XLOC_018450	TRAF3IP2-AS1	chr6:111804674-111927477	-0.0862696	0.999791
XLOC_015325	XLOC_015325	COPG1	chr3:128968452-128996616	-0.086227	0.999791
XLOC_021263	XLOC_021263	PNPLA8	chr7:108110865-108168605	-0.0862255	0.999791
XLOC_017108	XLOC_017108	NIPBL	chr5:36876860-37065921	-0.0861525	0.999791
XLOC_007837	XLOC_007837	FAM173A	chr16:771141-776473	-0.0861417	0.999791
XLOC_017523	XLOC_017523	ZNF354B	chr5:178286953-178311424	-0.0861363	0.999791
XLOC_001143	XLOC_001143	CNST	chr1:246729638-246831884	-0.0861289	0.999791
XLOC_011382	XLOC_011382	CD320	chr19:8367010-8373240	-0.0860992	0.999791
XLOC_023743	XLOC_023743	PRKX	chrX:3522383-3631675	-0.0859487	0.999791
XLOC_008007	XLOC_008007	LCMT1	chr16:25123046-25189551	-0.085944	0.999791

XLOC_006442	XLOC_006442	COQ6	chr14:74399694-74429813	-0.0859305	0.999791
XLOC_000605	XLOC_000605	HIPK1	chr1:114471995-114520491	-0.0857956	0.999791
XLOC_018293	XLOC_018293	TOMM6	chr6:41755180-41757634	-0.0857947	0.999791
XLOC_013481	XLOC_013481	PSMF1	chr20:1093905-1148426	-0.0857919	0.999791
XLOC_016500	XLOC_016500	HSPA4L	chr4:128703452-128754526	-0.0857521	0.999791
XLOC_006984	XLOC_006984	CKB	chr14:103985994-103989196	-0.0856837	0.999791
XLOC_018902	XLOC_018902	RCAN2	chr6:46188466-46459804	-0.0856121	1
XLOC_000310	XLOC_000310	EXO5	chr1:40974432-4098214	-0.0855587	0.999791
XLOC_022781	XLOC_022781	NDUFB6	chr9:32553523-32573182	-0.0855682	0.999791
XLOC_001089	XLOC_001089	GUK1	chr1:228327784-228336655	-0.0854717	0.999791
XLOC_003831	XLOC_003831	RBM7	chr11:114271383-114279635	-0.0854516	0.999791
XLOC_018331	XLOC_018331	ENPP4	chr6:46097700-46114436	-0.0854385	0.999791
XLOC_018454	XLOC_018454	MARCKS	chr6:114178526-114184652	-0.0853276	0.999791
XLOC_011955	XLOC_011955	RDH13	chr19:55555691-55580914	-0.0853213	0.999791
XLOC_016057	XLOC_016057	PHC3	chr3:169805367-169899537	-0.0852932	0.999791
XLOC_014653	XLOC_014653	RPL23AP82	chr22:51195513-51238065	-0.0851728	0.999791
XLOC_019164	XLOC_019164	LOC100129518	chr6:160181290-160210735	-0.0851663	1
XLOC_011937	XLOC_011937	OSCAR	chr19:54597932-54604148	-0.085145	0.999791
XLOC_015367	XLOC_015367	MRPS22	chr3:139062860-139075887	-0.0850505	0.999791
XLOC_023452	XLOC_023452	DGAT2L6	chrX:69397335-69425553	-0.085037	1
XLOC_001109	XLOC_001109	KIAA1804	chr1:233463513-233520894	-0.0850218	0.999791
XLOC_018871	XLOC_018871	MED20	chr6:41873091-41888877	-0.0849848	0.999791
XLOC_015936	XLOC_015936	RPN1	chr3:128338812-128369719	-0.0849521	0.999791
XLOC_011537	XLOC_011537	ELL	chr19:18553472-18632937	-0.0849377	0.999791
XLOC_004443	XLOC_004443	CREBZF	chr1:85368607-85376182	-0.0849256	0.999791
XLOC_018240	XLOC_018240	B3GALT4	chr6:33244916-33244602	-0.0849122	1
XLOC_013825	XLOC_013825	PCED1A	chr20:2815960-3019315	-0.0848536	0.999791
XLOC_002023	XLOC_002023	PIGC	chr1:172389827-172437969	-0.0848285	0.999791
XLOC_002489	XLOC_002489	DDX50	chr10:70661033-70706603	-0.0848171	0.999791
XLOC_007671	XLOC_007671	PARP6	chr15:72533521-72563628	-0.0847569	0.999791
XLOC_005239	XLOC_005239	VAMP1	chr12:6561176-6579843	-0.0846394	0.999791
XLOC_006708	XLOC_006708	RBM23	chr14:23369853-23388396	-0.0845963	0.999791
XLOC_016109	XLOC_016109	BCL6	chr3:187416046-187463513	-0.0845909	0.999791
XLOC_022874	XLOC_022874	PTAR1	chr9:72324437-72374876	-0.0845428	0.999791
XLOC_016686	XLOC_016686	QDPR	chr4:17488015-17513857	-0.0845231	0.999791
XLOC_011054	XLOC_011054	EMC10	chr19:50970044-50986608	-0.0845121	0.999791
XLOC_006980	XLOC_006980	CINP	chr14:102814618-102829253	-0.0844677	0.999791
XLOC_013521	XLOC_013521	MCM8	chr20:5931297-5975831	-0.0843739	0.999791
XLOC_022617	XLOC_022617	AIF1L	chr9:133971862-133998539	-0.0843636	0.999791
XLOC_000165	XLOC_000165	ZBTB40	chr1:22778343-22857650	-0.0843485	0.999791
XLOC_008863	XLOC_008863	CDRT15P1	chr17:13927814-13928915	-0.0843443	1
XLOC_017993	XLOC_017993	ADAMTS2	chr5:178537851-178772431	-0.0843381	1
XLOC_023907	XLOC_023907	ZC4H2	chrX:64135681-64254624	-0.084279	0.999791
XLOC_019027	XLOC_019027	SNX3	chr6:108532716-108582464	-0.0842733	0.999791
XLOC_020924	XLOC_020924	FAM220A	chr7:6369039-6388590	-0.0842482	0.999791
XLOC_016993	XLOC_016993	DDX60L	chr4:169277885-169401638	-0.0842032	1
XLOC_005708	XLOC_005708	HECTD4	chr12:112597991-112819896	-0.0840597	0.999791
XLOC_022258	XLOC_022258	DOCK8	chr9:213107-465259	-0.0840295	0.999791
XLOC_002065	XLOC_002065	RGS16	chr1:182567757-182573548	-0.0840273	0.999791
XLOC_003601	XLOC_003601	SAC3D1	chr1:64808375-64826009	-0.0840246	0.999791
XLOC_007241	XLOC_007241	TPM1	chr15:63334837-63364113	-0.0838644	0.999791
XLOC_007171	XLOC_007171	STAR09	chr15:42867856-43013196	-0.0838299	0.999791
XLOC_014360	XLOC_014360	C21orf2	chr21:45748826-45759285	-0.0838267	0.999791
XLOC_003566	XLOC_003566	POLR2G	chr11:62529010-62534187	-0.0837624	0.999791
XLOC_010392	XLOC_010392	BCL2	chr18:60790578-60986613	-0.0837347	0.999791
XLOC_018305	XLOC_018305	KLHDC3	chr6:42981840-42989036	-0.0836947	0.999791
XLOC_021653	XLOC_021653	LRRC1	chr8:86019322-86058314	-0.0836931	0.999791
XLOC_022021	XLOC_022021	MYBL1	chr8:67474409-67525480	-0.083604	0.999791
XLOC_011339	XLOC_011339	SAFB2	chr19:5587009-5622938	-0.0835548	0.999791
XLOC_017469	XLOC_017469	SPDL1	chr5:169010637-169031781	-0.0835133	0.999791
XLOC_009006	XLOC_009006	DHRS11	chr17:34948225-34957233	-0.083495	0.999791
XLOC_008952	XLOC_008952	TAOK1	chr17:27717942-27878921	-0.083493	0.999791
XLOC_008795	XLOC_008795	TXNDC17	chr17:6481644-6554954	-0.0834774	0.999791
XLOC_000569	XLOC_000569	AMPD2	chr1:110162434-110174677	-0.0834474	0.999791
XLOC_019168	XLOC_019168	AIRN	chr6:160390130-160527583	-0.0834048	1
XLOC_012650	XLOC_012650	TTL4	chr2:219575567-219620138	-0.083404	0.999791
XLOC_000935	XLOC_000935	PRG4	chr1:185703682-186446655	-0.0833968	1
XLOC_017510	XLOC_017510	NSD1	chr5:176560079-176727214	-0.0833421	0.999791
XLOC_016081	XLOC_016081	LAMP3	chr3:182840002-182880667	-0.0832952	0.999791
XLOC_015899	XLOC_015899	GOLGB1	chr3:121382045-121468614	-0.0832188	0.999791
XLOC_014163	XLOC_014163	CHAF1B	chr21:37757688-37789125	-0.0831638	0.999791
XLOC_017500	XLOC_017500	SIMC1	chr5:175665369-175772990	-0.08313	0.999791
XLOC_009538	XLOC_009538	SHMT1	chr17:18218593-18266856	-0.0830913	0.999791
XLOC_004271	XLOC_004271	ZBTB3	chr11:62518434-62521656	-0.0830367	0.999791
XLOC_009750	XLOC_009750	CCR10	chr17:40831419-40833845	-0.0830015	0.999791
XLOC_014417	XLOC_014417	ZDHHC8	chr22:20119363-20135530	-0.0829718	0.999791
XLOC_015730	XLOC_015730	HYAL3,NAT6	chr3:50330258-50336899	-0.0829445	0.999791
XLOC_005330	XLOC_005330	HIST4H4	chr12:14923653-14924065	-0.0828739	0.999791
XLOC_015768	XLOC_015768	TKT	chr3:53258722-53290130	-0.0828531	0.999791

XLOC_008339	XLOC_008339	NME3	chr16:1820320-1821710	-0.082816	0.999791
XLOC_017669	XLOC_017669	DEPDC1B	chr5:59892738-59995993	-0.0828116	0.999791
XLOC_017785	XLOC_017785	ALDH7A1	chr5:125877532-125931082	-0.0827575	0.999791
XLOC_000778	XLOC_000778	APOA1BP	chr1:156561557-156564091	-0.0827537	0.999791
XLOC_002091	XLOC_002091	ZBTB41	chr1:197122813-197169672	-0.0827036	0.999791
XLOC_003680	XLOC_003680	PPFIA1	chr1:70116805-70230607	-0.0827016	0.999791
XLOC_003394	XLOC_003394	KIAA1549L	chr1:33563876-33695646	-0.0826718	0.999791
XLOC_008932	XLOC_008932	TNFAIP1	chr17:26662547-26684603	-0.0825806	0.999791
XLOC_009627	XLOC_009627	RDM1	chr17:34245084-34257780	-0.0825645	0.999791
XLOC_010213	XLOC_010213	ONECUT2	chr18:55102916-55158530	-0.0825635	1
XLOC_018277	XLOC_018277	FTSJD2	chr6:37400906-37449284	-0.0825511	0.999791
XLOC_001813	XLOC_001813	VPS72	chr1:151148775-151162689	-0.0825106	0.999791
XLOC_019133	XLOC_019133	ZC3H12D	chr6:149768765-149806148	-0.0824997	1
XLOC_009663	XLOC_009663	MED1	chr17:37560537-37607527	-0.0824254	0.999791
XLOC_020577	XLOC_020577	PTPN12	chr7:77166772-77269398	-0.0824173	0.999791
XLOC_021900	XLOC_021900	NUDT18	chr8:21964382-21966932	-0.0823665	0.999791
XLOC_023142	XLOC_023142	VAV2	chr9:136627015-136857446	-0.0823589	0.999791
XLOC_001688	XLOC_001688	WDR47	chr1:109512837-109584850	-0.0823578	0.999791
XLOC_002112	XLOC_002112	ARL8A	chr1:202102531-202113871	-0.0823244	0.999791
XLOC_010435	XLOC_010435	PRTN3	chr19:840984-848175	-0.0823144	1
XLOC_023516	XLOC_023516	CENPI	chrX:100354797-100417978	-0.0822111	0.999791
XLOC_012706	XLOC_012706	PRSS56	chr2:233385172-233390425	-0.0822	1
XLOC_000192	XLOC_000192	LDLRAP1	chr1:25870075-25895377	-0.0821658	0.999791
XLOC_012122	XLOC_012122	YPEL5	chr2:30369749-30383339	-0.0821469	0.999791
XLOC_002970	XLOC_002970	AIFM2	chr10:71812356-71892690	-0.0821385	0.999791
XLOC_020653	XLOC_020653	PCOLCE	chr7:100183955-100205798	-0.0821332	0.999791
XLOC_010619	XLOC_010619	RAD23A	chr19:13056627-13064457	-0.0819346	0.999791
XLOC_009787	XLOC_009787	PLCD3	chr17:43189007-43209891	-0.0818968	0.999791
XLOC_005745	XLOC_005745	SPPL3	chr12:121200312-121342155	-0.0818942	0.999791
XLOC_011043	XLOC_011043	TBC1D17	chr19:50380681-50392007	-0.0818832	0.999791
XLOC_009224	XLOC_009224	DCAF7	chr17:61627795-61671642	-0.0818463	0.999791
XLOC_000879	XLOC_000879	FMO4	chr1:171283485-171311223	-0.0818251	0.999791
XLOC_010942	XLOC_010942	CD3EAP	chr19:45882891-45927177	-0.0817921	0.999791
XLOC_021023	XLOC_021023	MPLKIP	chr7:40172341-40174251	-0.081717	0.999791
XLOC_017191	XLOC_017191	HEXB	chr5:73980968-74072737	-0.0816318	0.999791
XLOC_006490	XLOC_006490	C14orf159	chr14:91580356-91691703	-0.0815393	0.999791
XLOC_011343	XLOC_011343	DUS3L	chr19:5785152-5791249	-0.0813999	0.999791
XLOC_002509	XLOC_002509	ANAPC16	chr10:73855789-73995618	-0.0813853	0.999791
XLOC_002668	XLOC_002668	SUFU	chr10:104263718-104393214	-0.0813646	0.999791
XLOC_010476	XLOC_010476	TLE6	chr19:2977535-2995182	-0.0813142	0.999791
XLOC_022267	XLOC_022267	SLC1A1	chr9:4490426-4587469	-0.0812944	0.999791
XLOC_007706	XLOC_007706	ETFA	chr15:76508628-76603810	-0.081294	0.999791
XLOC_010835	XLOC_010835	FAM98C	chr19:38893774-38916945	-0.0812507	0.999791
XLOC_014858	XLOC_014858	NDUFA6	chr22:42481529-42486888	-0.0812073	0.999791
XLOC_001741	XLOC_001741	TRIM45	chr1:117653676-117664411	-0.0810264	0.999791
XLOC_020522	XLOC_020522	KCTD7	chr7:66093867-66108216	-0.0810253	0.999791
XLOC_005487	XLOC_005487	AAAS	chr12:53701239-53715412	-0.0810131	0.999791
XLOC_013569	XLOC_013569	ENTPD6	chr20:25176338-25207360	-0.0810113	0.999791
XLOC_007585	XLOC_007585	MYO5C	chr15:52484514-52587995	-0.0809185	0.999791
XLOC_021416	XLOC_021416	C7orf13	chr7:156431059-156433348	-0.0808948	0.999791
XLOC_000019	XLOC_000019	GLTPD1	chr1:1260142-1264276	-0.0808434	0.999791
XLOC_016725	XLOC_016725	GNPDA2	chr4:44703811-44728651	-0.0807603	0.999791
XLOC_016689	XLOC_016689	LCORL	chr4:17812435-18023483	-0.0807319	0.999791
XLOC_003619	XLOC_003619	FAM89B	chr1:165339819-85341669	-0.0806682	0.999791
XLOC_008980	XLOC_008980	CDK5R1	chr17:30814104-30818271	-0.0806289	0.999791
XLOC_022048	XLOC_022048	JPH1	chr8:75146938-75233562	-0.0806151	0.999791
XLOC_018893	XLOC_018893	MRPL14	chr6:44081372-44095191	-0.0805677	0.999791
XLOC_011097	XLOC_011097	ZNF525	chr19:53868967-53889841	-0.0805591	0.999791
XLOC_009197	XLOC_009197	RAD51C	chr17:56769962-56811692	-0.0805539	0.999791
XLOC_020578	XLOC_020578	RSBN1L	chr7:77313167-77409120	-0.0804323	0.999791
XLOC_006939	XLOC_006939	ATXN3	chr14:92524895-92572965	-0.0804078	0.999791
XLOC_017975	XLOC_017975	F12	chr5:176829138-176836577	-0.0803111	0.999791
XLOC_016822	XLOC_016822	SEC31A	chr4:83739813-83812419	-0.0802532	0.999791
XLOC_014754	XLOC_014754	NIPSNAP1	chr22:29950797-29977326	-0.0802358	0.999791
XLOC_000059	XLOC_000059	THAP3	chr1:6684924-6761966	-0.0802317	0.999791
XLOC_007985	XLOC_007985	UQCRC2	chr16:21964608-21994668	-0.0802045	0.999791
XLOC_004492	XLOC_004492	MMP1	chr11:102654406-102714342	-0.0801893	1
XLOC_021151	XLOC_021151	SRI	chr7:87834431-87856308	-0.0801039	0.999791
XLOC_011693	XLOC_011693	ATP5SL	chr19:41937222-41945843	-0.0799804	0.999791
XLOC_011096	XLOC_011096	ZNF845	chr19:53837001-53858122	-0.0799681	0.999791
XLOC_018978	XLOC_018978	KIAA1009	chr6:84833959-84937335	-0.0799461	1
XLOC_014000	XLOC_014000	ACOT8	chr20:44462469-44486048	-0.0799226	0.999791
XLOC_012304	XLOC_012304	PROM2	chr2:95940200-95957055	-0.0799132	1
XLOC_023923	XLOC_023923	ZMYM3	chrX:70430034-70948962	-0.0799091	0.999791
XLOC_016635	XLOC_016635	NELFA	chr4:1984440-2010962	-0.079827	0.999791
XLOC_004387	XLOC_004387	NUMA1	chr1:171709957-171823822	-0.0797754	0.999791
XLOC_012160	XLOC_012160	PPM1B	chr2:44395999-44461742	-0.0797433	0.999791
XLOC_000156	XLOC_000156	PINK1	chr1:20959947-20978004	-0.0796976	0.999791
XLOC_007950	XLOC_007950	BFAR	chr16:14726667-14763093	-0.0796787	0.999791

XLOC_007629	XLOC_007629	PIF1	chr15:65107832-65117838	-0.0796748	0.999791
XLOC_008347	XLOC_008347	MSRB1	chr16:1988233-1993294	-0.0796332	0.999791
XLOC_022489	XLOC_022489	NIPSNAP3A	chr9:107509968-107522403	-0.0796295	0.999791
XLOC_004037	XLOC_004037	TAF10	chr11:6624963-6633475	-0.079615	0.999791
XLOC_008159	XLOC_008159	CKLF,CKLF-CMTM1,CMTM1	chr16:66586465-66613038	-0.0794812	0.999791
XLOC_008990	XLOC_008990	LIG3	chr17:33307516-33332088	-0.079465	0.999791
XLOC_020398	XLOC_020398	CCDC126	chr7:23636997-23684327	-0.0794559	0.999791
XLOC_013177	XLOC_013177	RND3	chr2:151324706-151344209	-0.079413	0.999791
XLOC_022943	XLOC_022943	C9orf129	chr9:95947211-96108696	-0.0793924	0.999791
XLOC_010941	XLOC_010941	KLC3	chr19:45843997-45873845	-0.0793771	0.999791
XLOC_014756	XLOC_014756	ASCC2	chr22:30184596-30234293	-0.0792763	0.999791
XLOC_010123	XLOC_010123	IMPA2	chr18:11981426-12030885	-0.0792482	0.999791
XLOC_004993	XLOC_004993	TBC1D15	chr12:72233486-72320629	-0.0792344	0.999791
XLOC_013650	XLOC_013650	RALGAPB	chr20:37101485-37207504	-0.0791984	0.999791
XLOC_012181	XLOC_012181	ERLEC1	chr2:53897116-54087170	-0.0791662	0.999791
XLOC_008388	XLOC_008388	SLX4	chr16:3631183-3661585	-0.0791594	0.999791
XLOC_010092	XLOC_010092	TYMS	chr18:596997-712662	-0.0791303	0.999791
XLOC_001526	XLOC_001526	MOB3C	chr1:47073386-47082563	-0.0791229	0.999791
XLOC_002703	XLOC_002703	NHLRC2	chr10:115614390-115672265	-0.0791185	0.999791
XLOC_016639	XLOC_016639	TNIP2	chr4:2743386-2758103	-0.0790281	0.999791
XLOC_012462	XLOC_012462	ACVR2A	chr2:148602569-149271044	-0.0789998	0.999791
XLOC_004866	XLOC_004866	ZNF740	chr12:53551446-53584654	-0.0789425	0.999791
XLOC_017517	XLOC_017517	B4GALT7	chr5:177027118-177037346	-0.07894	0.999791
XLOC_024104	XLOC_024104	ZNF75D	chrX:134419722-134429965	-0.0787266	0.999791
XLOC_015299	XLOC_015299	SEC22A	chr3:12920773-122992982	-0.0786107	0.999791
XLOC_000654	XLOC_000654	NBPF15,NBPF16	chr1:148558187-148596267	-0.0786083	0.999791
XLOC_008649	XLOC_008649	LOC100506060	chr16:70253483-70259936	-0.0785934	0.999791
XLOC_020514	XLOC_020514	ZNF92	chr7:64838767-64865998	-0.0785925	0.999791
XLOC_017022	XLOC_017022	IRF2	chr4:185308875-185395726	-0.0785899	0.999791
XLOC_017287	XLOC_017287	SNX2	chr5:122110749-122165802	-0.0785808	0.999791
XLOC_014795	XLOC_014795	MYH9	chr22:36677322-36784063	-0.0785471	0.999791
XLOC_015652	XLOC_015652	GTDC2	chr3:43120720-43147575	-0.0785387	0.999791
XLOC_017768	XLOC_017768	REEP5	chr5:112196884-112258031	-0.078535	0.999791
XLOC_000123	XLOC_000123	SLC25A34	chr1:16062808-16067884	-0.0785333	1
XLOC_001264	XLOC_001264	EXOSC10	chr1:11126675-11159938	-0.0784699	0.999791
XLOC_022185	XLOC_022185	LRRRC6	chr8:133584200-133687863	-0.0784573	0.999791
XLOC_022326	XLOC_022326	IL11RA	chr9:34652181-34662689	-0.0784531	0.999791
XLOC_000061	XLOC_000061	VAMP3	chr1:7831328-7841492	-0.0784302	0.999791
XLOC_016709	XLOC_016709	TLR6	chr4:38825328-38858438	-0.0784115	0.999791
XLOC_000526	XLOC_000526	SNX7	chr1:99127235-99226056	-0.0783674	0.999791
XLOC_003724	XLOC_003724	C11orf30	chr11:76156068-76262589	-0.0782326	0.999791
XLOC_013128	XLOC_013128	CLASP1	chr2:122095351-122407052	-0.0782179	0.999791
XLOC_008564	XLOC_008564	N4BP1	chr16:48572636-48644120	-0.0781747	0.999791
XLOC_018651	XLOC_018651	RANBP9	chr6:13621729-137111796	-0.0780715	0.999791
XLOC_022610	XLOC_022610	NCS1	chr9:132934856-132999583	-0.0780589	0.999791
XLOC_016439	XLOC_016439	METAP1	chr4:99916787-99983960	-0.0779481	0.999791
XLOC_016382	XLOC_016382	PARM1	chr4:75858284-75975325	-0.0779438	0.999791
XLOC_011673	XLOC_011673	ZNF780A	chr19:40575058-40596845	-0.0779363	0.999791
XLOC_017904	XLOC_017904	CCDC69	chr5:150560612-150603654	-0.0777766	0.999791
XLOC_001100	XLOC_001100	COG2	chr1:230778201-230829731	-0.0776325	0.999791
XLOC_002090	XLOC_002090	ASPM	chr1:197053256-197115824	-0.0775148	0.999791
XLOC_018788	XLOC_018788	AGPAT1	chr6:32120578-32145888	-0.0775103	0.999791
XLOC_016053	XLOC_016053	ACTRT3	chr3:169484710-169487683	-0.0775024	0.999791
XLOC_023129	XLOC_023129	RALGDS	chr9:135973106-136024607	-0.0774525	0.999791
XLOC_006765	XLOC_006765	CFL2	chr14:35179587-35184029	-0.0774425	0.999791
XLOC_008060	XLOC_008060	RNF40	chr16:30759619-30787628	-0.0774058	0.999791
XLOC_018809	XLOC_018809	VPS52	chr6:33217312-33239662	-0.0774046	0.999791
XLOC_002043	XLOC_002043	MRPS14	chr1:174982093-174992591	-0.0773987	0.999791
XLOC_017625	XLOC_017625	TTC33	chr5:40711677-40756072	-0.0773855	0.999791
XLOC_010565	XLOC_010565	PIN1	chr19:9945882-9960365	-0.0773767	0.999791
XLOC_014604	XLOC_014604	SERHL2	chr22:42949924-42978017	-0.0772991	1
XLOC_019007	XLOC_019007	COQ3	chr6:99817347-99842082	-0.0772979	0.999791
XLOC_003644	XLOC_003644	DPP3	chr11:66247483-66277130	-0.0772926	0.999791
XLOC_022706	XLOC_022706	FOXD4	chr9:116230-118417	-0.0772882	0.999791
XLOC_014857	XLOC_014857	NAGA	chr22:42454337-42466846	-0.0772738	0.999791
XLOC_009480	XLOC_009480	CTC1	chr17:8128138-8151413	-0.0771016	0.999791
XLOC_013656	XLOC_013656	FAM83D	chr20:37554954-37581703	-0.0770697	0.999791
XLOC_009046	XLOC_009046	WIPF2	chr17:38375573-38438439	-0.0770541	0.999791
XLOC_024007	XLOC_024007	RBM41	chrX:106305117-106362057	-0.0769931	0.999791
XLOC_021743	XLOC_021743	SQLC	chr8:126010719-126034525	-0.0769723	0.999791
XLOC_020743	XLOC_020743	IRF5	chr7:128577993-128590088	-0.0769237	0.999791
XLOC_009358	XLOC_009358	FN3K	chr17:80693451-80709073	-0.0768666	0.999791
XLOC_012880	XLOC_012880	SOS1	chr2:39208689-39347604	-0.0768268	0.999791
XLOC_000973	XLOC_000973	ELF3	chr1:201979689-201986315	-0.0767408	1
XLOC_007119	XLOC_007119	CHRNA7	chr15:32322685-32462384	-0.0767285	0.999791
XLOC_019005	XLOC_019005	FBXL4	chr6:99321600-99395849	-0.0767262	0.999791
XLOC_007376	XLOC_007376	ZNF592	chr15:85291817-85349663	-0.076672	0.999791
XLOC_015110	XLOC_015110	RBM6	chr3:49977476-50114685	-0.0766481	0.999791
XLOC_018773	XLOC_018773	LSM2	chr6:31765168-31774761	-0.0766397	0.999791

XLOC_001432	XLOC_001432	TRIM62	chr1:33611002-33647671	-0.0766371	0.999791
XLOC_003235	XLOC_003235	EFCAB4A	chr11:827584-831991	-0.0766345	0.999791
XLOC_023380	XLOC_023380	PLP2	chrX:49028183-49031468	-0.0765976	0.999791
XLOC_018390	XLOC_018390	BCKDHB	chr6:80816343-81055987	-0.0765955	0.999791
XLOC_017726	XLOC_017726	SCARNA18	chr5:82348664-82373272	-0.0765895	0.999791
XLOC_013990	XLOC_013990	SDC4	chr20:43953928-43977064	-0.0765784	0.999791
XLOC_015816	XLOC_015816	EIF4E3	chr3:71728439-71804328	-0.0765171	0.999791
XLOC_013039	XLOC_013039	MRPS5	chr2:95752951-95787754	-0.0764922	0.999791
XLOC_002330	XLOC_002330	FBXO18	chr10:5903688-5979558	-0.076492	0.999791
XLOC_008839	XLOC_008839	CNTROB	chr17:7835441-7853237	-0.0763695	0.999791
XLOC_010485	XLOC_010485	HMG20B	chr19:3572942-3579081	-0.0763436	0.999791
XLOC_007010	XLOC_007010	TUBGCP5	chr15:22833394-22873891	-0.0763413	0.999791
XLOC_009962	XLOC_009962	ATP5H	chr17:73034954-73043074	-0.076317	0.999791
XLOC_018568	XLOC_018568	ARID1B	chr6:157099063-157531913	-0.0763113	0.999791
XLOC_007125	XLOC_007125	PGBD4	chr15:34394273-34396591	-0.0762671	0.999791
XLOC_017931	XLOC_017931	PWWP2A	chr5:159502891-159546452	-0.076237	0.999791
XLOC_015468	XLOC_015468	KLHL24	chr3:183353410-183402304	-0.0762359	0.999791
XLOC_011270	XLOC_011270	TMEM259	chr19:1000436-1021141	-0.0762288	0.999791
XLOC_020481	XLOC_020481	UPP1	chr7:48128354-48148330	-0.0762048	0.999791
XLOC_008316	XLOC_008316	MRPL28	chr16:417383-420569	-0.0761966	0.999791
XLOC_012403	XLOC_012403	STEAP3	chr2:119981383-120023227	-0.0761552	0.999791
XLOC_022492	XLOC_022492	SLC44A1	chr9:108006928-108153682	-0.0761308	0.999791
XLOC_021983	XLOC_021983	PRKDC	chr8:48685668-48872743	-0.0761303	0.999791
XLOC_021792	XLOC_021792	MAF1	chr8:145159304-145162515	-0.0760468	0.999791
XLOC_001238	XLOC_001238	GPR153	chr1:6307405-6321035	-0.0759557	0.999791
XLOC_022691	XLOC_022691	TUBB4B	chr9:140135710-140142222	-0.0759254	0.999791
XLOC_010450	XLOC_010450	C19orf24	chr19:1275519-1279243	-0.0759138	0.999791
XLOC_017378	XLOC_017378	PCDH89	chr5:140566892-140571111	-0.0759051	0.999791
XLOC_003441	XLOC_003441	NR1H3	chr11:47260852-47290584	-0.0758632	0.999791
XLOC_017740	XLOC_017740	FAM172A	chr5:92919042-93447404	-0.0758495	0.999791
XLOC_012850	XLOC_012850	RBKS	chr2:28004265-28561767	-0.0758083	0.999791
XLOC_023372	XLOC_023372	SUV39H1	chrX:48555130-48567406	-0.0757724	0.999791
XLOC_013280	XLOC_013280	MSTN	chr2:190920425-190927455	-0.0756405	1
XLOC_004954	XLOC_004954	METTL21B	chr12:58166382-58176324	-0.0755413	0.999791
XLOC_012068	XLOC_012068	RHOB	chr2:20646834-20649201	-0.0754958	0.999791
XLOC_003574	XLOC_003574	RTN3	chr11:63448921-63527363	-0.0754883	0.999791
XLOC_005882	XLOC_005882	COG3	chr13:46039029-46110833	-0.0754877	0.999791
XLOC_006919	XLOC_006919	GTF2A1	chr14:81641795-81687575	-0.0754856	0.999791
XLOC_011536	XLOC_011536	ISYNA1	chr19:18530145-18549111	-0.0754585	0.999791
XLOC_011039	XLOC_011039	AP2A1	chr19:50270179-50316567	-0.0754563	0.999791
XLOC_015714	XLOC_015714	GPX1	chr3:49394608-49395791	-0.0754463	0.999791
XLOC_015475	XLOC_015475	DVL3	chr3:183873283-183891314	-0.0753639	0.999791
XLOC_014986	XLOC_014986	NR1D2	chr3:23986750-24022109	-0.0753318	0.999791
XLOC_024205	XLOC_024205	CMC4,MTCP1	chrX:154289899-154299547	-0.0753025	0.999791
XLOC_000928	XLOC_000928	SMG7	chr1:183441505-183523328	-0.0752333	0.999791
XLOC_016600	XLOC_016600	C4orf47	chr4:186350544-186392913	-0.0752232	0.999791
XLOC_018749	XLOC_018749	CDSN	chr6:31082607-31107869	-0.0752107	1
XLOC_022168	XLOC_022168	MTSS1	chr8:125563027-125740730	-0.0751434	0.999791
XLOC_002135	XLOC_002135	PPP1R15B	chr1:204372491-204380944	-0.0751389	0.999791
XLOC_014720	XLOC_014720	LOC284889	chr22:24235896-24241117	-0.0750887	0.999791
XLOC_000297	XLOC_000297	NDUFS5	chr1:39491966-39500308	-0.0750751	0.999791
XLOC_006662	XLOC_006662	BTBD6	chr14:105675622-105864484	-0.0750105	0.999791
XLOC_015357	XLOC_015357	NCK1	chr3:136581049-136667968	-0.0749634	0.999791
XLOC_018785	XLOC_018785	FKBP1	chr6:32096483-32098067	-0.0749594	0.999791
XLOC_016805	XLOC_016805	SCARB2	chr4:77079891-77135052	-0.0749409	0.999791
XLOC_016302	XLOC_016302	ATP10D	chr4:47487409-47595503	-0.0749308	0.999791
XLOC_021735	XLOC_021735	WDYHV1	chr8:124428964-124454260	-0.0748721	0.999791
XLOC_005024	XLOC_005024	MRPL42	chr12:93861265-93897548	-0.0747974	0.999791
XLOC_001662	XLOC_001662	ARHGAP29	chr1:94634462-94703307	-0.0747874	0.999791
XLOC_005136	XLOC_005136	SIRT4	chr12:120740123-120751045	-0.0747713	0.999791
XLOC_011399	XLOC_011399	ZNF266	chr19:9523101-9546254	-0.0747519	0.999791
XLOC_014824	XLOC_014824	DDX17	chr22:38864082-38902345	-0.0747506	0.999791
XLOC_021723	XLOC_021723	MED30	chr8:118532964-118552501	-0.0747136	0.999791
XLOC_007420	XLOC_007420	MCTP2	chr15:94841429-95027181	-0.0747115	0.999791
XLOC_021656	XLOC_021656	CA3	chr8:86351055-86361267	-0.0746775	0.999791
XLOC_010934	XLOC_010934	CLPTM1	chr19:45457841-45496604	-0.0746589	0.999791
XLOC_014856	XLOC_014856	CENPM	chr22:42334740-42343148	-0.0746337	0.999791
XLOC_003725	XLOC_003725	TSKU	chr1:176493356-76509198	-0.0746301	0.999791
XLOC_021268	XLOC_021268	DOCK4	chr7:111366163-111846462	-0.0746233	0.999791
XLOC_008064	XLOC_008064	ORAI3	chr16:30960404-30966259	-0.0745455	0.999791
XLOC_006400	XLOC_006400	PLEKHG3	chr14:65171192-65211060	-0.0744917	0.999791
XLOC_009165	XLOC_009165	ACSF2	chr17:48503518-48552200	-0.0743892	0.999791
XLOC_023518	XLOC_023518	HNRNP2, RPL36A, RPL36A-HNF	chrX:100645877-100669128	-0.0743855	0.999791
XLOC_012391	XLOC_012391	LOC654433	chr2:113973573-114036498	-0.0743818	0.999791
XLOC_006161	XLOC_006161	FBXL3	chr13:77579388-77601331	-0.0743328	0.999791
XLOC_014102	XLOC_014102	USP25	chr21:17102495-17252377	-0.0743291	0.999791
XLOC_000912	XLOC_000912	CEP350	chr1:179923907-180084015	-0.0742888	0.999791
XLOC_004389	XLOC_004389	LAMTOR1	chr1:171709957-71823822	-0.074273	0.999791
XLOC_021281	XLOC_021281	FAM3C	chr7:120988904-121036422	-0.0742418	0.999791

XLOC_006940	XLOC_006940	NDUFB1	chr14:92582467-92588153	-0.0742153	0.999791
XLOC_009444	XLOC_009444	MIR497HG	chr17:6915735-6922973	-0.0740959	0.999791
XLOC_008436	XLOC_008436	MYH11	chr16:15737123-15950887	-0.0740479	1
XLOC_014004	XLOC_014004	ZNF335	chr20:44577291-44600833	-0.0740003	0.999791
XLOC_001007	XLOC_001007	IKBKE	chr1:206643585-206670223	-0.0739909	0.999791
XLOC_015809	XLOC_015809	TMF1	chr3:69068977-69101484	-0.0739246	0.999791
XLOC_017485	XLOC_017485	ATP6V0E1	chr5:172410762-172461900	-0.0737996	0.999791
XLOC_011513	XLOC_011513	MED26	chr19:16685717-16739015	-0.0737252	0.999791
XLOC_010615	XLOC_010615	RNASEH2A	chr19:12917427-12924462	-0.0736862	0.999791
XLOC_022531	XLOC_022531	CNTRL	chr9:123850573-123939886	-0.0736621	0.999791
XLOC_003173	XLOC_003173	IKZF5	chr10:124750321-124768366	-0.0736383	0.999791
XLOC_007601	XLOC_007601	ZNF280D	chr15:56922373-57025787	-0.0736136	0.999791
XLOC_014147	XLOC_014147	IFNAR1	chr21:34697213-34732128	-0.0735585	0.999791
XLOC_019065	XLOC_019065	SERINC1	chr6:122764492-122792952	-0.0735093	0.999791
XLOC_009182	XLOC_009182	PCTP	chr17:53828339-53854748	-0.0735082	0.999791
XLOC_007362	XLOC_007362	WHAMM	chr15:83477972-83503613	-0.0734843	0.999791
XLOC_017864	XLOC_017864	FCHSD1	chr5:141016516-141030986	-0.0734445	0.999791
XLOC_002327	XLOC_002327	NET1	chr10:5454513-5501019	-0.0734227	0.999791
XLOC_015633	XLOC_015633	ACAA1	chr3:38080695-38178733	-0.0734005	0.999791
XLOC_012309	XLOC_012309	LOC285033	chr2:96850602-96908362	-0.0733788	0.999791
XLOC_003134	XLOC_003134	SMNDC1	chr10:112052797-112064707	-0.0733774	0.999791
XLOC_001031	XLOC_001031	HHAT	chr1:210501595-210849638	-0.0733484	0.999791
XLOC_013009	XLOC_013009	SUCLG1	chr2:84650646-8468586	-0.073312	0.999791
XLOC_008413	XLOC_008413	EMP2	chr16:10622278-10674539	-0.0732848	0.999791
XLOC_008858	XLOC_008858	MAP2K4	chr17:11924134-12047051	-0.0732787	0.999791
XLOC_005145	XLOC_005145	HNF1A	chr12:121416548-121440314	-0.0732751	0.999791
XLOC_021432	XLOC_021432	ARHGEF10	chr8:1772148-1906807	-0.0732619	0.999791
XLOC_008296	XLOC_008296	RPL13	chr16:89627064-89633237	-0.0732487	0.999791
XLOC_010414	XLOC_010414	ZNF516	chr18:74069636-74207146	-0.07321	0.999791
XLOC_004342	XLOC_004342	B3GNT1	chr11:66112842-66115161	-0.0731982	0.999791
XLOC_014618	XLOC_014618	FAM118A	chr22:45705080-45737836	-0.0731916	0.999791
XLOC_015692	XLOC_015692	UQCRC1	chr3:48636431-48647098	-0.0731716	0.999791
XLOC_008471	XLOC_008471	USP31	chr16:23072727-23160591	-0.0731409	0.999791
XLOC_005135	XLOC_005135	PXN-AS1	chr12:120639093-120703574	-0.0730697	0.999791
XLOC_010829	XLOC_010829	SPINT2	chr19:38755097-38783254	-0.073042	0.999791
XLOC_003937	XLOC_003937	SIGIRR	chr11:405715-417397	-0.0730141	0.999791
XLOC_009779	XLOC_009779	GPATCH8	chr17:42472644-42580957	-0.0729992	0.999791
XLOC_017160	XLOC_017160	PIK3R1	chr5:67511583-67597649	-0.0729807	0.999791
XLOC_021768	XLOC_021768	BAI1	chr8:143545376-143626368	-0.0729577	0.999791
XLOC_005425	XLOC_005425	ARF3	chr12:49329991-49351252	-0.0729442	0.999791
XLOC_017382	XLOC_017382	PCDHB13	chr5:140593508-140596993	-0.0729429	0.999791
XLOC_017439	XLOC_017439	CNOT8	chr5:154238197-154256352	-0.0729187	0.999791
XLOC_008396	XLOC_008396	NMRAL1	chr16:4511694-4560348	-0.0728994	0.999791
XLOC_001515	XLOC_001515	CCDC163P	chr1:45959597-45965751	-0.0728059	0.999791
XLOC_003994	XLOC_003994	TRIM68	chr11:4619901-4629489	-0.0728007	0.999791
XLOC_017966	XLOC_017966	GPRIN1	chr5:176022802-176037131	-0.0727854	0.999791
XLOC_004639	XLOC_004639	LOC100288778	chr12:87983-91263	-0.0727764	0.999791
XLOC_008041	XLOC_008041	TMEM219	chr16:29973350-29984373	-0.0726646	0.999791
XLOC_009965	XLOC_009965	SUMO2	chr17:73163824-73179098	-0.0726508	0.999791
XLOC_011159	XLOC_011159	CNOT3	chr19:54641435-54663446	-0.0726242	0.999791
XLOC_005164	XLOC_005164	ARL6IP4	chr12:123464879-123467460	-0.0726403	0.999791
XLOC_000993	XLOC_000993	SNRPE	chr1:203830739-203840280	-0.0725914	0.999791
XLOC_006495	XLOC_006495	GOLGA5	chr14:93260649-93306304	-0.072548	0.999791
XLOC_002117	XLOC_002117	RABIF	chr1:202847409-202858385	-0.0724855	0.999791
XLOC_012427	XLOC_012427	PTPN18	chr2:131113579-131132982	-0.0724768	0.999791
XLOC_001348	XLOC_001348	RANBP3	chr19:5914192-5978320	-0.0724678	0.999791
XLOC_009818	XLOC_009818	HOXB5	chr17:46667822-46683774	-0.0724565	0.999791
XLOC_014945	XLOC_014945	TATDN2	chr3:10290176-10335133	-0.0724236	0.999791
XLOC_021280	XLOC_021280	TSPAN12	chr7:120427373-120498177	-0.0723945	0.999791
XLOC_000074	XLOC_000074	UBE4B	chr1:10093040-10241296	-0.0723827	0.999791
XLOC_018526	XLOC_018526	HECA	chr6:139456248-139501946	-0.0723097	0.999791
XLOC_022734	XLOC_022734	BNC2	chr9:16409500-16870786	-0.0722043	0.999791
XLOC_009969	XLOC_009969	GRB2	chr17:73314156-73401790	-0.0721412	0.999791
XLOC_009747	XLOC_009747	PSMC3IP	chr17:40719077-40729849	-0.0721312	0.999791
XLOC_002009	XLOC_002009	SLC19A2	chr1:169433148-169455208	-0.0721297	0.999791
XLOC_000748	XLOC_000748	ZBTB7B	chr1:154975105-154991001	-0.0720184	0.999791
XLOC_004166	XLOC_004166	LRP4	chr11:46867961-46940173	-0.0719999	0.999791
XLOC_021049	XLOC_021049	TBRG4	chr7:45139698-45151346	-0.0719499	0.999791
XLOC_017252	XLOC_017252	C5orf30	chr5:102594441-102614361	-0.0719428	0.999791
XLOC_000196	XLOC_000196	EXTL1	chr1:26348270-26362954	-0.0719427	1
XLOC_007753	XLOC_007753	GOLGA6L5	chr15:85045805-85060078	-0.0718983	1
XLOC_008529	XLOC_008529	BCL7C	chr16:30899115-30905399	-0.0718684	0.999791
XLOC_010254	XLOC_010254	ZNF236	chr18:74536115-74682682	-0.0718641	0.999791
XLOC_007905	XLOC_007905	ZNF205	chr16:3160460-3170518	-0.0718587	0.999791
XLOC_010758	XLOC_010758	LRP3	chr19:33685598-33716756	-0.0718486	0.999791
XLOC_004234	XLOC_004234	OSBP	chr11:59341870-59383617	-0.0717961	0.999791
XLOC_021477	XLOC_021477	C8orf48	chr8:13424351-13425797	-0.0717424	0.999791
XLOC_023948	XLOC_023948	ABC7	chrX:74273006-74376175	-0.0717268	0.999791
XLOC_021121	XLOC_021121	PMS2P3	chr7:75137068-75157453	-0.0717053	0.999791

XLOC_010578	XLOC_010578	ATG4D	chr19:10654646-10676702	-0.0716937	0.999791
XLOC_012426	XLOC_012426	IMP4	chr2:131100488-131104197	-0.0716731	0.999791
XLOC_008933	XLOC_008933	TMEM199	chr17:26684686-26689089	-0.0716708	0.999791
XLOC_015485	XLOC_015485	POLR2H	chr3:184081193-184086363	-0.0716691	0.999791
XLOC_004969	XLOC_004969	LEMD3	chr12:65563350-65642141	-0.0716383	0.999791
XLOC_018624	XLOC_018624	SLC22A23	chr6:3269206-3456793	-0.0716378	0.999791
XLOC_012102	XLOC_012102	SNX17	chr2:27593362-27603611	-0.0715777	0.999791
XLOC_014992	XLOC_014992	ZCWPW2	chr3:28431986-28566632	-0.0715402	1
XLOC_015686	XLOC_015686	PLXNB1	chr3:48445260-48471460	-0.0713968	0.999791
XLOC_003140	XLOC_003140	ZDHHC6	chr10:114190057-114206672	-0.0713565	0.999791
XLOC_017083	XLOC_017083	FAM105B	chr5:14664782-14699842	-0.0712036	0.999791
XLOC_017691	XLOC_017691	GUSBP9	chr5:70516052-70555122	-0.0712036	1
XLOC_016629	XLOC_016629	SPON2	chr4:1160720-1202750	-0.0711827	0.999791
XLOC_010510	XLOC_010510	KDM4B	chr19:4969123-5153608	-0.0711752	0.999791
XLOC_016737	XLOC_016737	OCIAD2	chr4:48887404-48908815	-0.0711615	0.999791
XLOC_018063	XLOC_018063	JARID2	chr6:15246205-15522273	-0.0711456	0.999791
XLOC_000078	XLOC_000078	PEX14	chr1:10535002-10690815	-0.0710532	0.999791
XLOC_012481	XLOC_012481	TANC1	chr2:159825145-160089170	-0.0710513	0.999791
XLOC_000770	XLOC_000770	LMNA	chr1:156052368-156109880	-0.0710392	0.999791
XLOC_015762	XLOC_015762	GLT8D1	chr3:52719935-52742197	-0.0710012	0.999791
XLOC_009475	XLOC_009475	VAMP2	chr17:8062464-8066293	-0.0709792	0.999791
XLOC_016022	XLOC_016022	C3orf33	chr3:155480400-155524055	-0.0709761	0.999791
XLOC_001725	XLOC_001725	BCL2L15	chr1:114356432-114447741	-0.0709003	1
XLOC_022504	XLOC_022504	DNAJC25,DNAJC25-GNG10,GNC	chr9:114393631-114432526	-0.0708792	0.999791
XLOC_012604	XLOC_012604	PARD3B	chr2:205410515-206484886	-0.0708733	1
XLOC_001191	XLOC_001191	C1orf159	chr1:1017197-1051736	-0.0707575	0.999791
XLOC_001118	XLOC_001118	TBCE	chr1:235530727-235667781	-0.0707086	0.999791
XLOC_023403	XLOC_023403	CCNB3	chrX:50027539-50094911	-0.0706815	0.999791
XLOC_022177	XLOC_022177	ASAP1	chr8:131064350-131455906	-0.0706257	0.999791
XLOC_017141	XLOC_017141	GPBP1	chr5:56469774-56560506	-0.0706163	0.999791
XLOC_009284	XLOC_009284	TSEN54	chr17:73512608-73520820	-0.0705681	0.999791
XLOC_011563	XLOC_011563	ZNF737	chr19:20720797-20748626	-0.0705577	0.999791
XLOC_001614	XLOC_001614	PIGK	chr1:77554666-77685132	-0.0705056	0.999791
XLOC_021584	XLOC_021584	MCM4	chr8:48872762-48890719	-0.0704738	0.999791
XLOC_015734	XLOC_015734	RASSF1	chr3:50367216-50378367	-0.070464	0.999791
XLOC_013454	XLOC_013454	MYEOV2	chr2:241065979-241075764	-0.070439	0.999791
XLOC_003092	XLOC_003092	CWF19L1	chr10:101992054-102027437	-0.0703406	0.999791
XLOC_009571	XLOC_009571	PIGS	chr17:26880405-26889887	-0.0703185	0.999791
XLOC_004830	XLOC_004830	LOC100335030	chr12:49760687-49921207	-0.070295	1
XLOC_002589	XLOC_002589	PCGF5	chr10:92922768-93044088	-0.0702586	0.999791
XLOC_010268	XLOC_010268	ENOSF1	chr18:596997-712662	-0.0701696	0.999791
XLOC_001728	XLOC_001728	TRIM33	chr1:114935398-115053781	-0.070089	0.999791
XLOC_008143	XLOC_008143	POLR2C	chr16:57496550-57520385	-0.0700583	0.999791
XLOC_000091	XLOC_000091	MIIP	chr1:12079298-12092106	-0.0700331	0.999791
XLOC_006780	XLOC_006780	SEC23A	chr14:39501122-39572437	-0.0699718	0.999791
XLOC_013102	XLOC_013102	BUB1	chr2:111395408-111435684	-0.0698952	0.999791
XLOC_009021	XLOC_009021	PSMB3	chr17:36909001-36920478	-0.0698679	0.999791
XLOC_011242	XLOC_011242	ZNF544	chr19:58740069-58775008	-0.0698445	0.999791
XLOC_000230	XLOC_000230	MED18	chr1:28655512-28662478	-0.0697716	0.999791
XLOC_013258	XLOC_013258	TTN	chr2:179059207-179672150	-0.0697529	1
XLOC_023710	XLOC_023710	ATP6AP1	chrX:153656977-153664862	-0.0697175	0.999791
XLOC_009211	XLOC_009211	PPM1D	chr17:58677543-58743640	-0.0697107	0.999791
XLOC_006159	XLOC_006159	COMMD6	chr13:76099349-76111991	-0.0696959	0.999791
XLOC_012561	XLOC_012561	C2orf88	chr2:191002485-191068210	-0.0696893	0.999791
XLOC_011785	XLOC_011785	STRN4	chr19:47222767-47261832	-0.0696657	0.999791
XLOC_006311	XLOC_006311	G2E3	chr14:31028328-31089046	-0.0696469	0.999791
XLOC_002851	XLOC_002851	ARHGAP21	chr10:24872537-25012597	-0.0695563	0.999791
XLOC_009425	XLOC_009425	INCA1	chr17:4891424-4900905	-0.0695398	0.999791
XLOC_022435	XLOC_022435	CENPP	chr9:95059639-95432547	-0.0695337	0.999791
XLOC_005948	XLOC_005948	NDFIP2	chr13:80051498-80130212	-0.0695006	0.999791
XLOC_010559	XLOC_010559	ZNF317	chr19:9251055-9274091	-0.0694844	0.999791
XLOC_021267	XLOC_021267	IMMP2L	chr7:110303105-111202573	-0.0694129	0.999791
XLOC_000307	XLOC_000307	SMAP2	chr1:40839377-40888998	-0.0693632	0.999791
XLOC_007205	XLOC_007205	GALK2	chr15:49447975-49913118	-0.0693462	0.999791
XLOC_007926	XLOC_007926	UBN1	chr16:4897911-4932363	-0.0693378	0.999791
XLOC_007472	XLOC_007472	NDNL2	chr15:29412454-29862927	-0.0693359	0.999791
XLOC_004398	XLOC_004398	FAM168A	chr11:73117027-73309228	-0.0693066	0.999791
XLOC_011538	XLOC_011538	FKBP8	chr19:18642567-18654383	-0.0692347	0.999791
XLOC_004844	XLOC_004844	ATF1	chr12:51157788-51214943	-0.0692295	0.999791
XLOC_007931	XLOC_007931	METTL22	chr16:8715526-8740079	-0.0691993	0.999791
XLOC_020988	XLOC_020988	CPVL	chr7:29019582-29186153	-0.0691004	0.999791
XLOC_010821	XLOC_010821	ZNF383	chr19:37717365-37734574	-0.0690541	0.999791
XLOC_007012	XLOC_007012	GOLGA8I	chr15:23255241-23262743	-0.0690403	1
XLOC_016168	XLOC_016168	CTBP1-AS1	chr4:1243227-1246795	-0.0690074	0.999791
XLOC_009160	XLOC_009160	PKD2	chr17:48172100-48207246	-0.0689885	0.999791
XLOC_003349	XLOC_003349	NCR3LG1	chr11:17373308-17398868	-0.0689471	1
XLOC_016391	XLOC_016391	SEPT11	chr4:77870894-77959768	-0.0689093	0.999791
XLOC_023818	XLOC_023818	CASK	chrX:41374188-41782287	-0.0689016	0.999791
XLOC_011795	XLOC_011795	KPTN	chr19:47978399-47987521	-0.0688972	0.999791

XLOC_015655	XLOC_015655	ZNF445	chr3:44481261-44519162	-0.0688875	0.999791
XLOC_003503	XLOC_003503	CNTF,ZFP91	chr11:58346586-58393205	-0.0688738	0.999791
XLOC_018108	XLOC_018108	BTN3A2	chr6:26365397-26378548	-0.0688867	0.999791
XLOC_017229	XLOC_017229	RASA1	chr5:86564069-86687743	-0.0688056	0.999791
XLOC_013727	XLOC_013727	CSTF1	chr20:54967426-54979582	-0.0687165	0.999791
XLOC_010632	XLOC_010632	DCAF15	chr19:14041999-14072256	-0.0686989	0.999791
XLOC_010437	XLOC_010437	CFD	chr19:859664-863610	-0.068694	0.999791
XLOC_004857	XLOC_004857	C12orf44	chr12:52463757-52471279	-0.0686652	0.999791
XLOC_014356	XLOC_014356	CSTB	chr21:45193545-45196256	-0.0686474	0.999791
XLOC_007349	XLOC_007349	IL16	chr15:81489218-81616524	-0.0685961	1
XLOC_012205	XLOC_012205	UGP2	chr2:64068097-64118696	-0.0685956	0.999791
XLOC_012204	XLOC_012204	MDH1	chr2:63348534-63834330	-0.0685872	0.999791
XLOC_016200	XLOC_016200	WFS1	chr4:6271576-6304992	-0.0685751	0.999791
XLOC_014542	XLOC_014542	CDC42EP1	chr22:37956470-37965410	-0.0685593	0.999791
XLOC_014956	XLOC_014956	HDAC11	chr3:13521714-13547924	-0.0685573	0.999791
XLOC_017934	XLOC_017934	C5orf54	chr5:159820154-159827060	-0.0684894	0.999791
XLOC_005806	XLOC_005806	MRP63	chr13:2127733-21753220	-0.0684607	0.999791
XLOC_014558	XLOC_014558	KDELRL3	chr22:38864082-38902345	-0.0684541	0.999791
XLOC_012590	XLOC_012590	FZD7	chr2:202899309-202903160	-0.0684132	0.999791
XLOC_022338	XLOC_022338	RGP1	chr9:35749276-35754274	-0.068358	0.999791
XLOC_005829	XLOC_005829	POLR1D	chr13:28194879-28241559	-0.0683337	0.999791
XLOC_016804	XLOC_016804	NUP54	chr4:77035816-77069655	-0.0682918	0.999791
XLOC_003587	XLOC_003587	PLCB3	chr1:164018994-64036924	-0.06823	0.999791
XLOC_006363	XLOC_006363	MAPK1IP1L	chr14:55518361-55536912	-0.0682063	0.999791
XLOC_020782	XLOC_020782	C7orf55,C7orf55-LUC7L2,LUC7L3	chr7:139025104-139112272	-0.0681394	0.999791
XLOC_013426	XLOC_013426	NGEF	chr2:233743395-233877951	-0.0681335	0.999791
XLOC_001784	XLOC_001784	NBPF14	chr1:148003641-148025848	-0.0681065	0.999791
XLOC_002669	XLOC_002669	TRIM8	chr10:104404251-104418076	-0.0680595	0.999791
XLOC_013424	XLOC_013424	TIGD1	chr2:233412778-233415283	-0.0680385	0.999791
XLOC_004932	XLOC_004932	RBMS2	chr12:56915608-57030163	-0.0679771	0.999791
XLOC_000692	XLOC_000692	ZNF687	chr1:151254790-151300191	-0.0679552	0.999791
XLOC_008670	XLOC_008670	ZFH3	chr16:72816785-73092534	-0.0679506	0.999791
XLOC_016584	XLOC_016584	SPCS3	chr4:177241089-177253396	-0.067837	0.999791
XLOC_015939	XLOC_015939	ISY1,ISY1-RAB43,RAB43	chr3:128806411-128880073	-0.0678231	0.999791
XLOC_001640	XLOC_001640	GBP3	chr1:89472359-89488549	-0.0677852	0.999791
XLOC_008735	XLOC_008735	FANCA	chr16:89773540-89883065	-0.0677472	0.999791
XLOC_004983	XLOC_004983	FRS2	chr12:69864128-69973562	-0.0677178	0.999791
XLOC_022720	XLOC_022720	KIAA2026	chr9:5919007-6008003	-0.0676685	0.999791
XLOC_020346	XLOC_020346	TTYH3	chr7:2671602-2704436	-0.0676229	0.999791
XLOC_009560	XLOC_009560	C17orf51	chr17:21431570-21454941	-0.0676224	0.999791
XLOC_000563	XLOC_000563	SYPL2	chr1:110009099-110024764	-0.0676202	1
XLOC_006656	XLOC_006656	SIVA1	chr14:105219469-105225996	-0.0676069	0.999791
XLOC_009070	XLOC_009070	NAGLU	chr17:40687950-40696466	-0.0675131	0.999791
XLOC_021712	XLOC_021712	OXR1	chr8:107282405-107764921	-0.0674587	0.999791
XLOC_018075	XLOC_018075	E2F3	chr6:20402136-20493945	-0.0674518	0.999791
XLOC_012390	XLOC_012390	LOC654433	chr2:113973573-114036498	-0.0674502	0.999791
XLOC_014453	XLOC_014453	FBXW4P1	chr22:23522551-23660224	-0.067368	1
XLOC_005673	XLOC_005673	MTERFD3	chr12:107371068-107380944	-0.0672955	0.999791
XLOC_014152	XLOC_014152	MRPS6,SLC5A3	chr21:35445822-35515334	-0.067264	0.999791
XLOC_016000	XLOC_016000	WWTR1	chr3:149235021-149421060	-0.0672605	0.999791
XLOC_009044	XLOC_009044	CASC3	chr17:38296506-38328431	-0.0671785	0.999791
XLOC_018545	XLOC_018545	SASH1	chr6:148663728-148873184	-0.0671626	0.999791
XLOC_003515	XLOC_003515	STX3	chr1:59522531-59573355	-0.0670833	0.999791
XLOC_016643	XLOC_016643	LRPAP1	chr4:3505323-3534224	-0.067078	0.999791
XLOC_010583	XLOC_010583	DNM2	chr19:10828728-10942586	-0.067066	0.999791
XLOC_003764	XLOC_003764	C11orf54	chr1:93474792-93496247	-0.0670446	0.999791
XLOC_008966	XLOC_008966	RNF135	chr17:29297955-29326929	-0.0670388	0.999791
XLOC_014292	XLOC_014292	SCAF4	chr21:33043312-33104431	-0.0670319	0.999791
XLOC_020738	XLOC_020738	CALU	chr7:128379345-128415844	-0.0669379	0.999791
XLOC_015570	XLOC_015570	SEC13	chr3:10342614-10362858	-0.0669344	0.999791
XLOC_007533	XLOC_007533	TMEM87A	chr15:42502725-42565755	-0.0667247	0.999791
XLOC_001010	XLOC_001010	MAPKAPK2	chr1:206858364-206907630	-0.0667233	0.999791
XLOC_018046	XLOC_018046	LOC100130275	chr6:10396915-10419797	-0.0666973	0.999791
XLOC_012733	XLOC_012733	ESPNL	chr2:239008950-239041928	-0.0666676	1
XLOC_008590	XLOC_008590	DOK4	chr16:57496550-57520385	-0.0666648	0.999791
XLOC_002667	XLOC_002667	TMEM180	chr10:104221169-104236802	-0.0666005	0.999791
XLOC_023122	XLOC_023122	RAPGEF1	chr9:134452156-134612925	-0.0665675	0.999791
XLOC_022602	XLOC_022602	PPP2R4	chr9:131873227-131911225	-0.0665626	0.999791
XLOC_004929	XLOC_004929	COQ10A	chr12:56660641-56664750	-0.0665149	0.999791
XLOC_010693	XLOC_010693	PIK3R2	chr19:18263987-18281343	-0.0664636	0.999791
XLOC_020388	XLOC_020388	SP4	chr7:21467688-21554151	-0.0664614	0.999791
XLOC_009225	XLOC_009225	TACO1	chr17:61678230-61685725	-0.0663996	0.999791
XLOC_020670	XLOC_020670	CUX1	chr7:101459183-101927250	-0.0663386	0.999791
XLOC_023973	XLOC_023973	SYTL4	chrX:99929488-99987135	-0.0663342	0.999791
XLOC_016071	XLOC_016071	ZMAT3	chr3:178735010-178789656	-0.0663096	0.999791
XLOC_008534	XLOC_008534	VKORC1	chr16:31102174-31106276	-0.0662902	0.999791
XLOC_017907	XLOC_017907	FAT2	chr5:150883652-150948505	-0.0662504	1
XLOC_012056	XLOC_012056	LPIN1	chr2:11817704-11967533	-0.0662051	0.999791
XLOC_023721	XLOC_023721	F8A1	chrX:154064063-154250998	-0.0661205	0.999791

XLOC_020570	XLOC_020570	ZP3	chr7:76018645-76071388	-0.0660212	0.999791
XLOC_003004	XLOC_003004	NDST2	chr10:75561668-75571589	-0.0660188	0.999791
XLOC_012440	XLOC_012440	LOC150776	chr2:132202795-132360468	-0.0660008	0.999791
XLOC_005370	XLOC_005370	IPO8	chr12:30781914-30848929	-0.0659953	0.999791
XLOC_006972	XLOC_006972	SLC25A29	chr14:100757452-100772860	-0.0659407	0.999791
XLOC_007890	XLOC_007890	SRRM2	chr16:2787076-2821413	-0.0658947	0.999791
XLOC_001449	XLOC_001449	LSM10	chr1:36859030-36863493	-0.065864	0.999791
XLOC_003694	XLOC_003694	IL18BP	chr11:71709957-71823822	-0.0658406	0.999791
XLOC_005429	XLOC_005429	MLL2	chr12:49412757-49449107	-0.0658262	0.999791
XLOC_001072	XLOC_001072	CNIH4	chr1:224544594-224563695	-0.0658156	0.999791
XLOC_002951	XLOC_002951	CCDC6	chr10:61548505-61666414	-0.0657928	0.999791
XLOC_013952	XLOC_013952	NDRG3	chr20:35280168-35374541	-0.0657702	0.999791
XLOC_002496	XLOC_002496	HK1	chr10:71029755-71161637	-0.0657531	0.999791
XLOC_021112	XLOC_021112	RFC2	chr7:73645831-73668738	-0.0657112	0.999791
XLOC_011281	XLOC_011281	UQCR11	chr19:1597153-1605483	-0.0656978	0.999791
XLOC_002571	XLOC_002571	PTEN	chr10:89623194-89728532	-0.0656935	0.999791
XLOC_000122	XLOC_000122	PLEKHM2	chr1:16010826-16061264	-0.0656698	0.999791
XLOC_016326	XLOC_016326	CEP135	chr4:56814973-56899529	-0.0656276	0.999791
XLOC_010715	XLOC_010715	NDUFA13	chr19:19627018-19639013	-0.0655797	0.999791
XLOC_018034	XLOC_018034	CDYL	chr6:4706392-4955778	-0.0655475	0.999791
XLOC_010911	XLOC_010911	ZNF230	chr19:44507076-44518072	-0.0655426	0.999791
XLOC_003941	XLOC_003941	C11orf35	chr11:537521-560779	-0.0655151	0.999791
XLOC_017719	XLOC_017719	DHFR	chr5:79922044-80172634	-0.0654719	0.999791
XLOC_008755	XLOC_008755	HIC1	chr17:1958392-1962981	-0.0654646	0.999791
XLOC_017970	XLOC_017970	UIMC1	chr5:176332005-176433795	-0.0654418	0.999791
XLOC_017436	XLOC_017436	GALNT10	chr5:153570294-153825382	-0.0654213	0.999791
XLOC_010419	XLOC_010419	PARD6G	chr18:77905806-78005397	-0.0654024	0.999791
XLOC_014168	XLOC_014168	DYRK1A	chr21:38739858-38887679	-0.06537	0.999791
XLOC_017563	XLOC_017563	IRX2	chr5:2746278-2751769	-0.0653455	0.999791
XLOC_012546	XLOC_012546	DUSP19	chr2:183943286-183964722	-0.0653304	0.999791
XLOC_020993	XLOC_020993	NOD1	chr7:30464142-30518393	-0.0653187	0.999791
XLOC_011276	XLOC_011276	C19orf25	chr19:1450147-1479228	-0.0652928	0.999791
XLOC_004671	XLOC_004671	LTBR	chr12:6456008-6500737	-0.0652924	0.999791
XLOC_008257	XLOC_008257	OSGIN1	chr16:83986826-83999937	-0.0652785	0.999791
XLOC_019126	XLOC_019126	SF3B5	chr6:144416017-144416754	-0.0652785	0.999791
XLOC_010906	XLOC_010906	SRRM5	chr19:44111375-44124014	-0.065264	0.999791
XLOC_013319	XLOC_013319	INO80D	chr2:206858444-20695906	-0.0652547	0.999791
XLOC_008051	XLOC_008051	ZNF771	chr16:30418734-30429916	-0.0652048	0.999791
XLOC_015713	XLOC_015713	USP4	chr3:49314576-49377536	-0.0651756	0.999791
XLOC_010679	XLOC_010679	SLC27A1	chr19:17581299-17616977	-0.065113	0.999791
XLOC_001598	XLOC_001598	WLS	chr1:68167148-68698284	-0.0650658	0.999791
XLOC_008205	XLOC_008205	WWP2	chr16:69796186-69975644	-0.065032	0.999791
XLOC_009091	XLOC_009091	NBR1	chr17:41322497-41363707	-0.0649984	0.999791
XLOC_001386	XLOC_001386	WASF2	chr1:27730733-27816678	-0.0649954	0.999791
XLOC_005761	XLOC_005761	RSRC2	chr12:122989189-123011560	-0.0649943	0.999791
XLOC_017838	XLOC_017838	CDC25C	chr5:137620958-137667516	-0.0649467	0.999791
XLOC_018898	XLOC_018898	SUPT3H	chr6:44794466-45518819	-0.0649412	0.999791
XLOC_005046	XLOC_005046	APAF1	chr12:99039077-100378432	-0.0649208	0.999791
XLOC_009379	XLOC_009379	PRPF8	chr17:1553922-1588176	-0.0649018	0.999791
XLOC_009478	XLOC_009478	AURKB	chr17:8108048-8113944	-0.0648395	0.999791
XLOC_010554	XLOC_010554	MARCH2	chr19:8478186-8503899	-0.0647482	0.999791
XLOC_010359	XLOC_010359	DYM	chr18:46570171-46987079	-0.0647217	0.999791
XLOC_021782	XLOC_021782	ZNF623	chr8:144718182-144735900	-0.064713	0.999791
XLOC_011454	XLOC_011454	WDR83OS	chr19:1277617-12792701	-0.0647099	0.999791
XLOC_009404	XLOC_009404	SHPK,TRPV1	chr17:3468739-3539616	-0.0646862	0.999791
XLOC_003771	XLOC_003771	FUT4	chr11:94277016-94283064	-0.0646777	0.999791
XLOC_016677	XLOC_016677	BOD1L1	chr4:13570365-13629328	-0.0646676	0.999791
XLOC_012797	XLOC_012797	NBAS	chr2:15307031-15701472	-0.0646026	0.999791
XLOC_005695	XLOC_005695	ARPC3	chr12:110872705-110888158	-0.0645927	0.999791
XLOC_018252	XLOC_018252	ANKS1A	chr6:34857037-35059190	-0.0645815	0.999791
XLOC_003175	XLOC_003175	CHST15	chr10:125767181-125853123	-0.0645703	0.999791
XLOC_011049	XLOC_011049	MYH14	chr19:50706884-50813801	-0.0645353	0.999791
XLOC_015035	XLOC_015035	EIF1B	chr3:39851302-40353915	-0.0645316	0.999791
XLOC_014588	XLOC_014588	ACO2	chr22:41865128-41940479	-0.0645039	0.999791
XLOC_000512	XLOC_000512	MTF2	chr1:93544791-93604638	-0.0644967	0.999791
XLOC_014643	XLOC_014643	SELO	chr22:50639407-50656045	-0.0644796	0.999791
XLOC_021939	XLOC_021939	DUSP4	chr8:29190578-29208267	-0.0644433	0.999791
XLOC_008305	XLOC_008305	MC1R	chr16:89984286-89987385	-0.0644017	0.999791
XLOC_010742	XLOC_010742	POP4	chr19:30097169-30108162	-0.0643826	0.999791
XLOC_011335	XLOC_011335	PLIN3	chr19:4838345-4867780	-0.0643751	0.999791
XLOC_006735	XLOC_006735	MDP1,NEED8,NEED8-MDP1	chr14:24683142-24701576	-0.0643378	0.999791
XLOC_003205	XLOC_003205	TUBGCP2	chr10:135092133-135126666	-0.0643323	0.999791
XLOC_018790	XLOC_018790	PBX2	chr6:32152509-32157963	-0.0642589	0.999791
XLOC_016751	XLOC_016751	AASDH	chr4:57204456-57253638	-0.06424	0.999791
XLOC_011729	XLOC_011729	ZNF428	chr19:44111375-44124014	-0.0642063	0.999791
XLOC_018726	XLOC_018726	GABBR1	chr6:29570004-29600962	-0.0642003	0.999791
XLOC_015746	XLOC_015746	PCBP4	chr3:51989329-52001482	-0.0641791	0.999791
XLOC_020846	XLOC_020846	LRRC61	chr7:149944300-150035245	-0.0641149	0.999791
XLOC_003976	XLOC_003976	CDKN1C	chr11:2904447-2906995	-0.0640484	0.999791

XLOC_017792	XLOC_017792	RAPGEF6	chr5:130759613-130970929	-0.0639952	0.999791
XLOC_010818	XLOC_010818	ZNF345	chr19:37288451-37407193	-0.0639898	0.999791
XLOC_021039	XLOC_021039	NUDCD3	chr7:44421964-44530385	-0.0639332	0.999791
XLOC_000565	XLOC_000565	CYB561D1	chr1:110036657-110043063	-0.0639317	0.999791
XLOC_022354	XLOC_022354	TRMT10B	chr9:37753801-37778969	-0.0639078	0.999791
XLOC_000780	XLOC_000780	BCAN	chr1:156611739-156629324	-0.0638679	0.999791
XLOC_001905	XLOC_001905	SMG5	chr1:156219014-156252620	-0.0638566	0.999791
XLOC_012410	XLOC_012410	RALB	chr2:121010413-121052286	-0.0638327	0.999791
XLOC_009411	XLOC_009411	ZZEF1	chr17:3907738-4046253	-0.0638119	0.999791
XLOC_022785	XLOC_022785	B4GALT1	chr9:33110638-33167356	-0.063765	0.999791
XLOC_021330	XLOC_021330	CNOT4	chr7:135046546-135194875	-0.0637234	0.999791
XLOC_008269	XLOC_008269	GSE1	chr16:85645028-85709812	-0.0637159	0.999791
XLOC_021376	XLOC_021376	OR2A7	chr7:143955788-143983096	-0.0637088	0.999791
XLOC_022474	XLOC_022474	TGFBR1	chr9:101867411-101916473	-0.0636777	0.999791
XLOC_009521	XLOC_009521	FAM211A	chr17:16342300-16395505	-0.0636611	0.999791
XLOC_010660	XLOC_010660	RAB8A	chr19:16222489-16244445	-0.0636391	0.999791
XLOC_013971	XLOC_013971	ZHX3	chr20:39807088-39928739	-0.0636128	0.999791
XLOC_002830	XLOC_002830	FAM171A1	chr10:15253643-15413058	-0.0635477	0.999791
XLOC_001873	XLOC_001873	UBE2Q1	chr1:154521050-154531120	-0.0635412	0.999791
XLOC_021106	XLOC_021106	MLXIPL	chr7:73007523-73038870	-0.063459	0.999791
XLOC_006707	XLOC_006707	SLC7A7	chr14:23242431-23289020	-0.0633348	1
XLOC_003410	XLOC_003410	TTC17	chr11:43380434-43516483	-0.0632832	0.999791
XLOC_008185	XLOC_008185	NUTF2	chr16:67862059-67905219	-0.063233	0.999791
XLOC_014435	XLOC_014435	RIMBP3C	chr22:21737662-21743455	-0.0632253	1
XLOC_009669	XLOC_009669	ORMDL3	chr17:38077295-38083884	-0.0632008	0.999791
XLOC_011350	XLOC_011350	MLLT1	chr19:6210391-6279959	-0.0631258	0.999791
XLOC_006434	XLOC_006434	ACOT1	chr14:73945188-74025651	-0.0631142	0.999791
XLOC_014561	XLOC_014561	GTPBP1	chr22:39101806-39129592	-0.0630739	0.999791
XLOC_023023	XLOC_023023	HDHD3	chr9:116135697-116138341	-0.0630549	0.999791
XLOC_022723	XLOC_022723	C9orf123	chr9:7796490-7799799	-0.0630115	0.999791
XLOC_004351	XLOC_004351	POLD4	chr11:67085309-67159158	-0.0629819	0.999791
XLOC_010697	XLOC_010697	PGPEP1	chr19:18451407-18480763	-0.0629718	0.999791
XLOC_003010	XLOC_003010	COMTD1	chr10:76993728-76995770	-0.0629375	0.999791
XLOC_021427	XLOC_021427	FBXO25	chr8:356807-419875	-0.0629206	0.999791
XLOC_010959	XLOC_010959	CALM3	chr19:47104511-47114039	-0.0628991	0.999791
XLOC_018077	XLOC_018077	SOX4	chr6:21593971-21598849	-0.06287	0.999791
XLOC_010888	XLOC_010888	RPS19	chr19:42363987-42375484	-0.0628378	0.999791
XLOC_001547	XLOC_001547	CC2D1B	chr1:52816264-52831877	-0.0627474	0.999791
XLOC_010355	XLOC_010355	IER3IP1	chr18:44681389-44702745	-0.0626799	0.999791
XLOC_017659	XLOC_017659	PPAP2A	chr5:54603575-54830873	-0.0625814	0.999791
XLOC_019123	XLOC_019123	FUCA2	chr6:143815948-143833020	-0.062517	0.999791
XLOC_005127	XLOC_005127	PEBP1	chr12:118573869-118583390	-0.0624963	0.999791
XLOC_009822	XLOC_009822	HOXB9	chr17:46698518-46703835	-0.0624408	0.999791
XLOC_003435	XLOC_003435	ATG13	chr11:46638825-46697568	-0.0623939	0.999791
XLOC_016820	XLOC_016820	SCD5	chr4:83550689-83720010	-0.0623781	0.999791
XLOC_016150	XLOC_016150	MF12	chr3:196728611-196756687	-0.0623487	0.999791
XLOC_000114	XLOC_000114	TMEM51	chr1:15479027-15546974	-0.0623145	0.999791
XLOC_018574	XLOC_018574	GTF2H5	chr6:158589378-158620376	-0.0622779	0.999791
XLOC_003938	XLOC_003938	ANO9	chr11:417929-442011	-0.062252	1
XLOC_009835	XLOC_009835	SLC35B1	chr17:47778689-47785282	-0.0622414	0.999791
XLOC_001551	XLOC_001551	ECHDC2	chr1:53361581-53387446	-0.0622269	0.999791
XLOC_013683	XLOC_013683	DBNDD2.SYS1	chr20:43990576-44039250	-0.0622143	0.999791
XLOC_017077	XLOC_017077	MARCB6	chr5:10353750-10440500	-0.0622039	0.999791
XLOC_007940	XLOC_007940	RM12	chr16:11439310-11445617	-0.0621502	0.999791
XLOC_005027	XLOC_005027	PLXNC1	chr12:94542498-94701451	-0.0621319	0.999791
XLOC_001707	XLOC_001707	DRAM2	chr1:111659953-111727724	-0.0621249	0.999791
XLOC_021571	XLOC_021571	IKKBK	chr8:42128819-42190171	-0.0621136	0.999791
XLOC_010477	XLOC_010477	GNA11	chr19:3094407-3121454	-0.0621106	0.999791
XLOC_022095	XLOC_022095	GEM	chr8:95261484-95274547	-0.0620859	0.999791
XLOC_023500	XLOC_023500	APOOL	chrX:84258897-84363974	-0.0620689	0.999791
XLOC_013256	XLOC_013256	PRKRA	chr2:179059207-179672150	-0.0620662	0.999791
XLOC_019010	XLOC_019010	CCNC	chr6:99990262-100016690	-0.0620166	0.999791
XLOC_006126	XLOC_006126	SPRYD7	chr13:50486841-50510625	-0.062008	0.999791
XLOC_022328	XLOC_022328	DNAJB5	chr9:34989637-34998430	-0.0620073	0.999791
XLOC_004647	XLOC_004647	ADIPOR2	chr12:1800246-1897845	-0.0619883	0.999791
XLOC_014409	XLOC_014409	CDC45	chr22:19467413-19508135	-0.0619839	0.999791
XLOC_016161	XLOC_016161	PIGG	chr4:419223-533320	-0.0619794	0.999791
XLOC_003879	XLOC_003879	C11orf63	chr11:122753472-122830430	-0.0619742	0.999791
XLOC_020744	XLOC_020744	TP1P2	chr7:128695276-128697293	-0.061974	1
XLOC_016329	XLOC_016329	SRP72	chr4:57333761-57369847	-0.0619584	0.999791
XLOC_004423	XLOC_004423	PAK1	chr11:77033059-77185108	-0.0619388	0.999791
XLOC_018775	XLOC_018775	NEU1	chr6:31826828-31830709	-0.0619293	0.999791
XLOC_006864	XLOC_006864	VTI1B	chr14:68086578-68141602	-0.0618885	0.999791
XLOC_004340	XLOC_004340	RIN1	chr11:66099541-66104000	-0.0618529	0.999791
XLOC_012701	XLOC_012701	COPS7B	chr2:232651161-232673434	-0.0618407	0.999791
XLOC_012749	XLOC_012749	SNED1	chr2:241938254-242041747	-0.0618278	0.999791
XLOC_019058	XLOC_019058	CEP85L	chr6:118781934-119031238	-0.0618217	0.999791
XLOC_008913	XLOC_008913	ALDH3A2	chr17:19552063-19580908	-0.0618065	0.999791
XLOC_009095	XLOC_009095	DHX8	chr17:41561333-41601680	-0.0617857	0.999791

XLOC_011921	XLOC_011921	ZNF468	chr19:53341784-53360902	-0.0617599	0.999791
XLOC_000754	XLOC_000754	SLC50A1	chr1:155108287-155111334	-0.0616838	0.999791
XLOC_016983	XLOC_016983	NAF1	chr4:164047859-164088073	-0.0616532	0.999791
XLOC_009274	XLOC_009274	CDR2L	chr17:72983726-73001892	-0.0615643	0.999791
XLOC_010962	XLOC_010962	ARHGAP35	chr19:47421932-47508333	-0.0615598	0.999791
XLOC_005445	XLOC_005445	LIMA1	chr12:50569562-50677353	-0.0614585	0.999791
XLOC_012332	XLOC_012332	PDCL3	chr2:101179417-101193201	-0.0614098	0.999791
XLOC_003665	XLOC_003665	GSTP1	chr11:67351065-67354124	-0.0614031	0.999791
XLOC_014396	XLOC_014396	CECR2	chr22:17956627-18033845	-0.0613837	1
XLOC_013813	XLOC_013813	NSFL1C	chr20:1422806-1448337	-0.0613822	0.999791
XLOC_008869	XLOC_008869	TBC1D26	chr17:15635590-15648098	-0.0613485	1
XLOC_012780	XLOC_012780	MBOAT2	chr2:8996700-9143876	-0.0613108	0.999791
XLOC_004367	XLOC_004367	UNC93B1	chr11:67758574-67771593	-0.0612804	0.999791
XLOC_011527	XLOC_011527	JAK3	chr19:17935592-17958841	-0.0612478	0.999791
XLOC_004861	XLOC_004861	KRT18	chr12:53290970-53346685	-0.0612465	0.999791
XLOC_000814	XLOC_000814	NCSTN	chr1:160258376-160328742	-0.0612155	0.999791
XLOC_020561	XLOC_020561	NSUN5P1	chr7:75039623-75115568	-0.0611902	0.999791
XLOC_009470	XLOC_009470	TRAPPC1	chr17:7833662-7835317	-0.0611374	0.999791
XLOC_018295	XLOC_018295	TAF8	chr6:42018250-42048644	-0.0611368	0.999791
XLOC_014086	XLOC_014086	UCKL1	chr20:62571181-62601223	-0.0611068	0.999791
XLOC_003579	XLOC_003579	OTUB1	chr11:63753324-63765892	-0.0610941	0.999791
XLOC_010465	XLOC_010465	SF3A2	chr19:2236815-2248678	-0.0610455	0.999791
XLOC_010431	XLOC_010431	PTBP1	chr19:797391-812327	-0.061032	0.999791
XLOC_004242	XLOC_004242	PTGDR2	chr11:60609428-60623444	-0.0609825	0.999791
XLOC_000140	XLOC_000140	ARHGEF10L	chr1:17866329-18024370	-0.060972	0.999791
XLOC_015957	XLOC_015957	TOPBP1	chr3:133319448-133380737	-0.0609456	0.999791
XLOC_001972	XLOC_001972	DEDD	chr1:161070345-161102478	-0.0609131	0.999791
XLOC_006441	XLOC_006441	ZNF410	chr14:74353317-74398991	-0.0609087	0.999791
XLOC_023040	XLOC_023040	MEGF9	chr9:123363195-123476765	-0.0608647	0.999791
XLOC_020762	XLOC_020762	EXOC4	chr7:132937822-133750513	-0.0607165	0.999791
XLOC_015159	XLOC_015159	FLNB	chr3:57994126-58157982	-0.0606955	0.999791
XLOC_023456	XLOC_023456	KIF4A	chrX:69509878-69640774	-0.0606695	0.999791
XLOC_008691	XLOC_008691	CMC2	chr16:81009698-81066709	-0.0606753	0.999791
XLOC_013829	XLOC_013829	DDRKG1	chr20:3171011-3185295	-0.0606676	0.999791
XLOC_013034	XLOC_013034	FOXI3	chr2:88747725-88752053	-0.0606514	1
XLOC_010849	XLOC_010849	ZFP36	chr19:39897486-39900052	-0.0606395	0.999791
XLOC_008157	XLOC_008157	LOC100505865	chr16:66442426-66444803	-0.0605993	1
XLOC_010358	XLOC_010358	SMAD7	chr18:46446222-46477081	-0.0605792	0.999791
XLOC_010147	XLOC_010147	RIOK3	chr18:21032786-21063099	-0.0605266	0.999791
XLOC_017193	XLOC_017193	HMGCR	chr5:74632992-74657926	-0.0605176	0.999791
XLOC_007917	XLOC_007917	GLIS2	chr16:4382224-4389598	-0.0604564	0.999791
XLOC_015101	XLOC_015101	KLHDC8B	chr3:49209017-49213919	-0.0604202	0.999791
XLOC_007675	XLOC_007675	ADPGK	chr15:73043707-73090540	-0.060373	0.999791
XLOC_007609	XLOC_007609	GTF2A2	chr15:59930260-59949737	-0.0603629	0.999791
XLOC_020408	XLOC_020408	HOTAIRM1	chr7:27135712-27139877	-0.0603595	0.999791
XLOC_005778	XLOC_005778	UBC	chr12:125396191-125399587	-0.060343	0.999791
XLOC_008785	XLOC_008785	KIF1C	chr17:4901242-4931694	-0.0603119	0.999791
XLOC_016962	XLOC_016962	FBXW7	chr4:153242409-153456393	-0.0603057	0.999791
XLOC_022244	XLOC_022244	TONSL	chr8:145654162-145669812	-0.0602909	0.999791
XLOC_017972	XLOC_017972	MXD3	chr5:176730762-176739292	-0.060285	0.999791
XLOC_017192	XLOC_017192	NSA2	chr5:73980968-74072737	-0.0602194	0.999791
XLOC_004214	XLOC_004214	TIMM10	chr11:57295935-57298232	-0.0602051	0.999791
XLOC_020532	XLOC_020532	POM121	chr7:72349935-72425302	-0.0602005	0.999791
XLOC_008827	XLOC_008827	MPDU1	chr17:7486964-7493488	-0.0601345	0.999791
XLOC_002224	XLOC_002224	C1orf35	chr1:228288427-228291022	-0.0600088	0.999791
XLOC_012781	XLOC_012781	ITGB1BP1	chr2:9545814-9563643	-0.0599982	0.999791
XLOC_014759	XLOC_014759	GATSL3	chr22:30681106-30685616	-0.0599584	0.999791
XLOC_011976	XLOC_011976	FIZ1	chr19:56102736-56110893	-0.0599542	0.999791
XLOC_008255	XLOC_008255	HSBP1	chr16:83841507-83846607	-0.0598853	0.999791
XLOC_021340	XLOC_021340	KIAA1549	chr7:138516126-138666064	-0.0598825	0.999791
XLOC_003739	XLOC_003739	TMEM126B	chr11:85339616-85347583	-0.0598781	0.999791
XLOC_004656	XLOC_004656	TEAD4	chr12:3068477-3149842	-0.0598599	0.999791
XLOC_008501	XLOC_008501	SEZ6L2	chr16:29882479-29910585	-0.0598116	0.999791
XLOC_006141	XLOC_006141	MRPS31P5	chr13:52741844-52768602	-0.0597704	0.999791
XLOC_008743	XLOC_008743	FAM57A	chr17:635846-646075	-0.0596873	0.999791
XLOC_011558	XLOC_011558	ZNF506	chr19:19903519-19932560	-0.0596531	0.999791
XLOC_004911	XLOC_004911	GDF11	chr12:56137063-56211540	-0.0595991	0.999791
XLOC_014162	XLOC_014162	MORC3	chr21:37692486-37748944	-0.0595188	0.999791
XLOC_023072	XLOC_023072	SCAI	chr9:127704887-127905838	-0.0594848	0.999791
XLOC_008004	XLOC_008004	TNRC6A	chr16:24741048-24837547	-0.0594483	0.999791
XLOC_008703	XLOC_008703	COTL1	chr16:84599203-84651669	-0.0594379	0.999791
XLOC_007881	XLOC_007881	C16orf59	chr16:2510114-2514964	-0.0594202	0.999791
XLOC_002638	XLOC_002638	ABCC2	chr10:101542462-101611662	-0.0593956	1
XLOC_014413	XLOC_014413	TANGO2	chr22:20008630-20053447	-0.0593413	0.999791
XLOC_007838	XLOC_007838	HAGHL	chr16:777265-779711	-0.0592943	0.999791
XLOC_000082	XLOC_000082	UBIAD1	chr1:11333254-11348491	-0.0592666	0.999791
XLOC_008940	XLOC_008940	RPL23A	chr17:27046999-27053949	-0.0592434	0.999791
XLOC_001439	XLOC_001439	ZMYM6	chr1:35451766-35497569	-0.0592197	0.999791
XLOC_008124	XLOC_008124	MT1DP	chr16:56677598-56678853	-0.0591475	0.999791

XLOC_013571	XLOC_013571	GINS1	chr20:25388322-25429191	-0.0591175	0.999791
XLOC_003337	XLOC_003337	PARVA	chr11:12399025-12556903	-0.0590533	0.999791
XLOC_008961	XLOC_008961	LRRC37BP1	chr17:28903482-28964484	-0.059033	0.999791
XLOC_004854	XLOC_004854	ACVR1B	chr12:52345450-52390863	-0.0590177	0.999791
XLOC_004301	XLOC_004301	TRMT112	chr11:64073043-64085033	-0.0590127	0.999791
XLOC_010514	XLOC_010514	RPL36	chr19:5690271-5691678	-0.059008	0.999791
XLOC_006829	XLOC_006829	EXOC5	chr14:57669193-57756797	-0.058991	0.999791
XLOC_014908	XLOC_014908	LMF2	chr22:50941375-50946135	-0.0588053	0.999791
XLOC_007391	XLOC_007391	FANCI	chr15:89787193-89878026	-0.0587812	0.999791
XLOC_003859	XLOC_003859	HMBS	chr11:118955586-118964259	-0.0587477	0.999791
XLOC_013059	XLOC_013059	ACTR1B	chr2:98272401-98280561	-0.0587338	0.999791
XLOC_014582	XLOC_014582	RBX1	chr22:41347350-41369019	-0.0587329	0.999791
XLOC_017106	XLOC_017106	SKP2	chr5:36152144-36184142	-0.0586213	0.999791
XLOC_021913	XLOC_021913	LOXL2	chr8:23154409-23261722	-0.0586005	0.999791
XLOC_023592	XLOC_023592	NDUFA1	chrX:119004494-119010629	-0.0585916	0.999791
XLOC_016129	XLOC_016129	TMEM44	chr3:194304996-194354150	-0.0585776	0.999791
XLOC_015412	XLOC_015412	GMPS	chr3:155588324-155655520	-0.0585551	0.999791
XLOC_004914	XLOC_004914	DGKA	chr12:56324945-56347807	-0.0585544	0.999791
XLOC_001588	XLOC_001588	JAK1	chr1:65210777-65432187	-0.0585384	0.999791
XLOC_008754	XLOC_008754	DPH1,OVCA2	chr17:1933430-1946725	-0.0584964	0.999791
XLOC_018878	XLOC_018878	TBCC	chr6:42712233-42713884	-0.058396	0.999791
XLOC_009994	XLOC_009994	MXRA7	chr17:74671808-74707056	-0.0583368	0.999791
XLOC_010516	XLOC_010516	NRTN	chr19:5823817-5828335	-0.058301	0.999791
XLOC_011534	XLOC_011534	LSM4	chr19:18417039-18434001	-0.0582916	0.999791
XLOC_003251	XLOC_003251	MRPL23	chr11:1968501-1978739	-0.0582856	0.999791
XLOC_008485	XLOC_008485	XPO6	chr16:28109297-28223239	-0.0582776	0.999791
XLOC_010046	XLOC_010046	SIRT7	chr17:79869814-79876058	-0.0582657	0.999791
XLOC_001370	XLOC_001370	STMN1	chr1:26210676-26233368	-0.0582656	0.999791
XLOC_017583	XLOC_017583	ANKH	chr5:14704908-14871887	-0.0582268	0.999791
XLOC_002395	XLOC_002395	WAC	chr10:28821421-28912041	-0.0582146	0.999791
XLOC_018517	XLOC_018517	PEX7	chr6:137143701-137235072	-0.0581778	0.999791
XLOC_007654	XLOC_007654	AGAB	chr15:67493012-67819641	-0.0581575	0.999791
XLOC_003649	XLOC_003649	C11orf80,RCE1	chr11:66512206-66614003	-0.0581521	0.999791
XLOC_012566	XLOC_012566	MYO1B	chr2:192110106-192290115	-0.058086	0.999791
XLOC_002726	XLOC_002726	SEC23IP	chr10:121652084-121704170	-0.058084	0.999791
XLOC_018076	XLOC_018076	CDKAL1	chr6:20534687-21232634	-0.0580248	0.999791
XLOC_011415	XLOC_011415	FDX1L	chr19:10420890-10426691	-0.058019	0.999791
XLOC_007854	XLOC_007854	HN1L	chr16:1728277-1752073	-0.058014	0.999791
XLOC_018018	XLOC_018018	TRIM52	chr5:180683385-180688119	-0.0579834	0.999791
XLOC_004335	XLOC_004335	EIF1AD	chr11:65764015-65771617	-0.0579053	0.999791
XLOC_011647	XLOC_011647	CAPN12	chr19:39138266-39235114	-0.0577587	0.999791
XLOC_014892	XLOC_014892	CELSR1	chr22:46756730-46933067	-0.0577497	1
XLOC_007900	XLOC_007900	TNFRSF12A	chr16:3070312-3072383	-0.0576834	0.999791
XLOC_006371	XLOC_006371	AP5M1	chr14:57669193-57756797	-0.0576557	0.999791
XLOC_004683	XLOC_004683	GNB3	chr12:6949374-6956557	-0.0576308	0.999791
XLOC_018751	XLOC_018751	CCHCR1	chr6:31110215-31126015	-0.057535	0.999791
XLOC_011470	XLOC_011470	STX10	chr19:13254871-13261188	-0.0575328	0.999791
XLOC_008790	XLOC_008790	RPAIN	chr17:5289345-5342471	-0.0575028	0.999791
XLOC_009322	XLOC_009322	CBX2	chr17:77751976-77761449	-0.0574361	0.999791
XLOC_007302	XLOC_007302	ARID3B	chr15:74833547-74890472	-0.0574343	0.999791
XLOC_006823	XLOC_006823	DLGAP5	chr14:55614833-55658396	-0.0574049	0.999791
XLOC_001061	XLOC_001061	MARC2	chr1:220921675-220957596	-0.0574004	0.999791
XLOC_010369	XLOC_010369	CXXC1	chr18:47808712-47814692	-0.0573792	0.999791
XLOC_011807	XLOC_011807	KDELRL1	chr19:48885826-48894810	-0.0573171	0.999791
XLOC_004873	XLOC_004873	PRR13	chr12:53835432-53840427	-0.0573112	0.999791
XLOC_014159	XLOC_014159	CBR1	chr21:37441939-37498938	-0.0572906	0.999791
XLOC_019008	XLOC_019008	PNISR	chr6:99847840-99873207	-0.057259	0.999791
XLOC_017588	XLOC_017588	MYO10	chr5:16662015-16936385	-0.0572478	0.999791
XLOC_022595	XLOC_022595	TBC1D13	chr9:131549509-131572711	-0.0572461	0.999791
XLOC_022571	XLOC_022571	LRSAM1	chr9:130213764-130265780	-0.0572282	0.999791
XLOC_002986	XLOC_002986	DNAJB12	chr10:74092587-74114907	-0.0571597	0.999791
XLOC_006949	XLOC_006949	DDX24	chr14:94517267-94547558	-0.0571593	0.999791
XLOC_020469	XLOC_020469	YKT6	chr7:44240577-44253893	-0.057152	0.999791
XLOC_015533	XLOC_015533	FBXO45	chr3:196295724-196315930	-0.0571441	0.999791
XLOC_007435	XLOC_007435	LRRK1	chr15:101459459-101610317	-0.0571388	0.999791
XLOC_021156	XLOC_021156	LRRD1	chr7:91774197-91794590	-0.0571371	1
XLOC_022627	XLOC_022627	GTFC3C4	chr9:135469675-135565470	-0.0571081	0.999791
XLOC_004238	XLOC_004238	MRPL16	chr11:59573607-59578345	-0.0570788	0.999791
XLOC_002146	XLOC_002146	ELK4	chr1:205577070-205602000	-0.0570689	0.999791
XLOC_017445	XLOC_017445	CYFIP2	chr5:156693090-156822606	-0.0570008	0.999791
XLOC_014755	XLOC_014755	ZMAT5	chr22:30116343-30162969	-0.0569713	0.999791
XLOC_000253	XLOC_000253	IQCC	chr1:32671235-32674288	-0.0569405	0.999791
XLOC_000217	XLOC_000217	TMEM222	chr1:27648635-27662891	-0.0569374	0.999791
XLOC_006801	XLOC_006801	L2HGDH	chr14:50709151-50778947	-0.0569372	0.999791
XLOC_021621	XLOC_021621	C8orf44,C8orf44-SGK3,SGK3	chr8:67579786-67774257	-0.0569247	0.999791
XLOC_012770	XLOC_012770	ADI1	chr2:3501689-3523350	-0.0568698	0.999791
XLOC_004321	XLOC_004321	SYVN1	chr11:64888098-64902003	-0.0568441	0.999791
XLOC_000752	XLOC_000752	EFNA3	chr1:155051347-155060014	-0.0568371	0.999791
XLOC_010265	XLOC_010265	THOC1	chr18:214519-268059	-0.0567952	0.999791

XLOC_006234	XLOC_006234	GAS6	chr13:114518582-114567046	-0.0567893	0.999791
XLOC_010532	XLOC_010532	C19orf45	chr19:7562444-7573336	-0.0567781	0.999791
XLOC_000439	XLOC_000439	AK4	chr1:65613231-65697828	-0.0567619	0.999791
XLOC_022337	XLOC_022337	CREB3	chr9:35697333-35749225	-0.0567463	0.999791
XLOC_011371	XLOC_011371	XAB2	chr19:7684410-7694439	-0.0567023	0.999791
XLOC_010157	XLOC_010157	TAF4B	chr18:23806408-23971650	-0.0566747	0.999791
XLOC_023191	XLOC_023191	ANAPC2	chr9:140069235-140084822	-0.0566547	0.999791
XLOC_015427	XLOC_015427	SMC4	chr3:160117429-160152741	-0.0566029	0.999791
XLOC_010945	XLOC_010945	VASP	chr19:46010687-46030240	-0.0565413	0.999791
XLOC_006097	XLOC_006097	ENOX1	chr13:43787665-44361116	-0.0565376	1
XLOC_015841	XLOC_015841	DCBLD2	chr3:98514813-98620533	-0.0565347	0.999791
XLOC_001189	XLOC_001189	HES4	chr1:934341-935552	-0.0565167	0.999791
XLOC_023323	XLOC_023323	PRRG1	chrX:37208527-37316548	-0.0564998	0.999791
XLOC_008759	XLOC_008759	RAP1GAP2	chr17:2699731-2941035	-0.0564908	0.999791
XLOC_007680	XLOC_007680	STOML1	chr15:74275558-74286963	-0.0564596	0.999791
XLOC_003965	XLOC_003965	CTSD	chr11:1490684-1785501	-0.0564406	0.999791
XLOC_003992	XLOC_003992	TRIM21	chr11:4406126-4414926	-0.0564154	0.999791
XLOC_004534	XLOC_004534	TMPRSS5	chr11:113558267-113577068	-0.0564005	0.999791
XLOC_020437	XLOC_020437	FKBP9	chr7:32997004-33046543	-0.0563962	0.999791
XLOC_001350	XLOC_001350	E2F2	chr1:23832919-23857712	-0.0563	0.999791
XLOC_011001	XLOC_011001	FUT2	chr19:49199227-49209191	-0.0563162	1
XLOC_003636	XLOC_003636	SF3B2	chr1:65819815-65836382	-0.0562949	0.999791
XLOC_021682	XLOC_021682	PLEKHF2	chr8:96145948-96168913	-0.056293	0.999791
XLOC_011441	XLOC_011441	ZNF823	chr19:11832079-11849760	-0.0562593	0.999791
XLOC_003208	XLOC_003208	ECHS1	chr10:135175986-135186908	-0.0561229	0.999791
XLOC_004944	XLOC_004944	MBD6	chr12:57916658-57941114	-0.0561092	0.999791
XLOC_023112	XLOC_023112	ASB6	chr9:132388434-132404448	-0.0560729	0.999791
XLOC_016172	XLOC_016172	TACCC3	chr4:1723216-1746905	-0.056054	0.999791
XLOC_008575	XLOC_008575	AKTIP	chr16:53468350-53537170	-0.0559758	0.999791
XLOC_023108	XLOC_023108	SH3GLB2	chr9:131770312-131790579	-0.0559738	0.999791
XLOC_015490	XLOC_015490	MAP3K13	chr3:185000728-185206882	-0.0557851	0.999791
XLOC_015375	XLOC_015375	RNF7	chr3:141457050-141465645	-0.0557748	0.999791
XLOC_023773	XLOC_023773	RBBP7	chrX:16862774-16888534	-0.0557675	0.999791
XLOC_003584	XLOC_003584	DNAJC4	chr1:63997752-64001753	-0.0557489	0.999791
XLOC_015087	XLOC_015087	KLHL18	chr3:47205859-47388306	-0.055731	0.999791
XLOC_005372	XLOC_005372	DDX11-AS1	chr12:31173696-31257275	-0.0557182	0.999791
XLOC_003838	XLOC_003838	RNF214	chr11:117103403-117186972	-0.0556958	0.999791
XLOC_011356	XLOC_011356	SLC25A23	chr19:6440074-6459781	-0.0556867	0.999791
XLOC_005777	XLOC_005777	SCARB1	chr12:125262173-125348519	-0.0556573	0.999791
XLOC_008654	XLOC_008654	COG4	chr16:70514471-70557457	-0.0556461	0.999791
XLOC_009734	XLOC_009734	KLHL11	chr17:40009798-40021629	-0.0556364	0.999791
XLOC_002173	XLOC_002173	LPGAT1	chr1:211916798-212004114	-0.0556302	0.999791
XLOC_007523	XLOC_007523	LTK	chr15:41795839-41806085	-0.0556007	0.999791
XLOC_024151	XLOC_024151	IDS	chrX:148560294-148586884	-0.0555926	0.999791
XLOC_008165	XLOC_008165	CES3	chr16:66995131-67009052	-0.0555872	0.999791
XLOC_004670	XLOC_004670	PLEKHG6	chr12:6419601-6437672	-0.055493	1
XLOC_010045	XLOC_010045	PCYT2	chr17:79860071-79869340	-0.05549	0.999791
XLOC_016601	XLOC_016601	TLR3	chr4:186990308-187006252	-0.0554878	1
XLOC_009641	XLOC_009641	SYNRG	chr17:35874899-35969486	-0.0554853	0.999791
XLOC_021397	XLOC_021397	CDK5	chr7:150750898-150755052	-0.0554366	0.999791
XLOC_014703	XLOC_014703	MAPK1	chr22:22113946-22221970	-0.0554097	0.999791
XLOC_010114	XLOC_010114	TWSG1	chr18:9334764-9402418	-0.0554083	0.999791
XLOC_018389	XLOC_018389	TTK	chr6:80714321-80752244	-0.0553989	0.999791
XLOC_016638	XLOC_016638	ZFYVE28	chr4:2271323-2420370	-0.0553798	0.999791
XLOC_014379	XLOC_014379	POFUT2	chr21:46683842-46707811	-0.0553768	0.999791
XLOC_004652	XLOC_004652	ITFG2	chr12:2921786-2934237	-0.0553436	0.999791
XLOC_014961	XLOC_014961	TMEM43	chr3:14166439-14185180	-0.0553203	0.999791
XLOC_011152	XLOC_011152	MYADM	chr19:54369610-54379689	-0.0553081	0.999791
XLOC_008671	XLOC_008671	LOC283922	chr16:74366303-74402153	-0.0553001	0.999791
XLOC_009212	XLOC_009212	BCAS3	chr17:58755171-59470199	-0.0552982	0.999791
XLOC_001814	XLOC_001814	PI4KB	chr1:151254790-151300191	-0.0552674	0.999791
XLOC_013732	XLOC_013732	TFAP2C	chr20:55204357-55214338	-0.0552525	0.999791
XLOC_021395	XLOC_021395	KCNH2	chr7:150642043-150675402	-0.0552342	0.999791
XLOC_001433	XLOC_001433	PHC2	chr1:33789223-33841194	-0.0552238	0.999791
XLOC_004787	XLOC_004787	CCDC91	chr12:28410132-28703099	-0.0551272	0.999791
XLOC_018431	XLOC_018431	QRSL1	chr6:107077440-107116292	-0.055124	0.999791
XLOC_011315	XLOC_011315	MATK	chr19:3777966-3801810	-0.0550935	0.999791
XLOC_011333	XLOC_011333	DPP9	chr19:4675243-4723855	-0.0550183	0.999791
XLOC_008727	XLOC_008727	GALNS	chr16:88880141-88923374	-0.0549901	0.999791
XLOC_022471	XLOC_022471	NANS	chr9:100818958-100881488	-0.0549785	0.999791
XLOC_008588	XLOC_008588	PLLP	chr16:57290008-57318584	-0.0549781	0.999791
XLOC_014901	XLOC_014901	TUBGCP6	chr22:50656117-50683400	-0.0549732	0.999791
XLOC_017053	XLOC_017053	SDHA	chr5:218355-256814	-0.0549429	0.999791
XLOC_014743	XLOC_014743	TTC28	chr22:28315363-29075853	-0.0548418	0.999791
XLOC_005723	XLOC_005723	HRK	chr12:117298224-117319232	-0.0548199	0.999791
XLOC_000689	XLOC_000689	SCNM1,TNFAIP8L2,TNFAIP8L2-1	chr1:151129104-151148547	-0.0548055	0.999791
XLOC_014989	XLOC_014989	OXSM	chr3:25831562-25836025	-0.0547854	0.999791
XLOC_008648	XLOC_008648	PDXDC2P	chr16:70010201-70099851	-0.0547743	0.999791
XLOC_005422	XLOC_005422	DDX23	chr12:49223538-49245957	-0.0547609	0.999791

XLOC_017791	XLOC_017791	HINT1	chr5:130494975-130501041	-0.0547575	0.999791
XLOC_010617	XLOC_010617	GCDH	chr19:13001973-130300086	-0.0547471	0.999791
XLOC_021004	XLOC_021004	RP9P	chr7:32956426-32982782	-0.0547339	0.999791
XLOC_015135	XLOC_015135	PPM1M	chr3:52279808-52284615	-0.0546758	0.999791
XLOC_009033	XLOC_009033	ERBB2	chr17:37844392-37884915	-0.0546516	0.999791
XLOC_003637	XLOC_003637	PACS1	chr11:65837823-66012218	-0.0546465	0.999791
XLOC_003216	XLOC_003216	PSMD13	chr11:236807-252984	-0.0546151	0.999791
XLOC_021687	XLOC_021687	MTDH	chr8:98656406-98742488	-0.0546149	0.999791
XLOC_002561	XLOC_002561	ADIRF,AGAP11	chr10:88728187-88769960	-0.0546086	0.999791
XLOC_009789	XLOC_009789	MAP3K14	chr17:43325302-43394414	-0.0545759	0.999791
XLOC_010905	XLOC_010905	ZNF576	chr19:44100543-44104587	-0.0545599	0.999791
XLOC_000543	XLOC_000543	ACTG1P4	chr1:104068577-104122149	-0.0545495	1
XLOC_000740	XLOC_000740	ATP8B2	chr1:154298035-154323780	-0.0544826	0.999791
XLOC_020934	XLOC_020934	NDUFA4	chr7:10971579-10979813	-0.0544459	0.999791
XLOC_015480	XLOC_015480	ECE2	chr3:183967444-184010819	-0.0544373	0.999791
XLOC_003444	XLOC_003444	PTPMT1	chr11:47586981-47606115	-0.054418	0.999791
XLOC_014963	XLOC_014963	SLC6A6	chr3:14444105-14583588	-0.0543804	0.999791
XLOC_011763	XLOC_011763	SIX5	chr19:46268042-46272497	-0.0543486	0.999791
XLOC_013729	XLOC_013729	RTFDC1	chr20:55043646-55101208	-0.0543232	0.999791
XLOC_011331	XLOC_011331	SEMA6B	chr19:4542599-4559771	-0.0543033	0.999791
XLOC_012583	XLOC_012583	NIF3L1	chr2:201754049-201768655	-0.0542977	0.999791
XLOC_005865	XLOC_005865	WBP4	chr13:41635696-41658139	-0.0542805	0.999791
XLOC_012820	XLOC_012820	PTRHD1	chr2:25013135-25142055	-0.0541931	0.999791
XLOC_017532	XLOC_017532	SQSTM1	chr5:179224597-179285840	-0.0541787	0.999791
XLOC_015724	XLOC_015724	TRAIP	chr3:49866027-49893992	-0.0541652	0.999791
XLOC_018319	XLOC_018319	VEGFA	chr6:43737945-43754223	-0.0541541	0.999791
XLOC_005779	XLOC_005779	DHX37	chr12:125431369-125473667	-0.0541518	0.999791
XLOC_022959	XLOC_022959	CDC14B	chr9:99262394-99382112	-0.0541206	0.999791
XLOC_016538	XLOC_016538	ARFIP1	chr4:153701111-153833063	-0.0541113	0.999791
XLOC_009206	XLOC_009206	VMP1	chr17:57784862-57917952	-0.0541004	0.999791
XLOC_001136	XLOC_001136	ZBTB18	chr1:244214560-244220778	-0.0540443	0.999791
XLOC_000363	XLOC_000363	AKR1A1	chr1:46016454-46035723	-0.054019	0.999791
XLOC_023426	XLOC_023426	APEX2	chrX:55026755-55034306	-0.0539998	0.999791
XLOC_008142	XLOC_008142	COQ9	chr16:57462086-57495187	-0.053941	0.999791
XLOC_001509	XLOC_001509	PTCH2	chr1:45285515-45308616	-0.0539035	1
XLOC_009453	XLOC_009453	DVL2	chr17:7128660-7137863	-0.0538311	0.999791
XLOC_018239	XLOC_018239	RPS18	chr6:33239851-33244281	-0.0538136	0.999791
XLOC_021299	XLOC_021299	GCC1	chr7:127220681-127225654	-0.0538058	0.999791
XLOC_016736	XLOC_016736	FRYL	chr4:48499379-48782316	-0.0537645	0.999791
XLOC_005654	XLOC_005654	CCDC53	chr12:102406716-102455899	-0.0536519	0.999791
XLOC_009386	XLOC_009386	SMG6	chr17:1963132-2207069	-0.0536364	0.999791
XLOC_011434	XLOC_011434	EPOR	chr19:11487880-11495018	-0.0536044	0.999791
XLOC_016828	XLOC_016828	HELQ	chr4:84328498-84377025	-0.05354	0.999791
XLOC_004077	XLOC_004077	GALNT18	chr11:11292420-11643561	-0.0535182	0.999791
XLOC_005793	XLOC_005793	ANKLE2	chr12:133302253-133338451	-0.0535006	0.999791
XLOC_001035	XLOC_001035	DTL	chr1:212113740-212278187	-0.0534795	0.999791
XLOC_023535	XLOC_023535	TCEAL3	chrX:102862833-102864855	-0.0534438	0.999791
XLOC_006901	XLOC_006901	TMED10	chr14:75598170-75643349	-0.0534218	0.999791
XLOC_022109	XLOC_022109	RPL30	chr8:99053937-99057818	-0.0534214	0.999791
XLOC_001438	XLOC_001438	ZMYM6NB	chr1:35447126-35450948	-0.0533824	0.999791
XLOC_014372	XLOC_014372	SUMO3	chr21:46225531-46238044	-0.0533634	0.999791
XLOC_011087	XLOC_011087	ZNF578	chr19:52956828-53020131	-0.0533418	0.999791
XLOC_013857	XLOC_013857	MKKS	chr20:10385427-10414887	-0.0532385	0.999791
XLOC_015942	XLOC_015942	RPL32P3	chr3:129101676-129118282	-0.0531569	0.999791
XLOC_006736	XLOC_006736	TINF2	chr14:24708850-24711880	-0.0531431	0.999791
XLOC_002568	XLOC_002568	MINPP1	chr10:89264222-89313218	-0.0531314	0.999791
XLOC_015370	XLOC_015370	SLC25A36	chr3:140660661-140698785	-0.0530891	0.999791
XLOC_003118	XLOC_003118	NT5C2	chr10:104847773-104953063	-0.0530631	0.999791
XLOC_021298	XLOC_021298	ZNF800	chr7:127010353-127032767	-0.0530443	0.999791
XLOC_008504	XLOC_008504	DOC2A	chr16:30007530-30022401	-0.0530324	0.999791
XLOC_008500	XLOC_008500	CDIPT	chr16:29869677-29874578	-0.0530106	0.999791
XLOC_009614	XLOC_009614	RAD51D,RFLL	chr17:33336130-33448541	-0.0529707	0.999791
XLOC_001457	XLOC_001457	SNIP1	chr1:38000049-38019945	-0.0529521	0.999791
XLOC_022123	XLOC_022123	YWHAZ	chr8:101930803-101965623	-0.0529282	0.999791
XLOC_006883	XLOC_006883	NUMB	chr14:73741917-73925286	-0.0528306	0.999791
XLOC_000854	XLOC_000854	POGK	chr1:166808723-166823709	-0.0527968	0.999791
XLOC_003436	XLOC_003436	ZNF408	chr11:46722316-46727466	-0.0527672	0.999791
XLOC_016417	XLOC_016417	NUDT9	chr4:88343727-88380606	-0.0527401	0.999791
XLOC_014920	XLOC_014920	SETMAR	chr3:4344987-4358949	-0.0527058	0.999791
XLOC_004575	XLOC_004575	USP2	chr11:119225924-119252436	-0.0526893	0.999791
XLOC_009967	XLOC_009967	MIF4GD	chr17:73232693-73267311	-0.0526715	0.999791
XLOC_010599	XLOC_010599	ZNF833P	chr19:11784812-11797384	-0.0526546	0.999791
XLOC_022465	XLOC_022465	C9orf174	chr9:100000707-100139577	-0.0526339	0.999791
XLOC_006522	XLOC_006522	PAPOLA	chr14:96968712-97033453	-0.0526255	0.999791
XLOC_016823	XLOC_016823	THAP9-AS1	chr4:83814604-83841284	-0.0526168	0.999791
XLOC_012985	XLOC_012985	BOLA3	chr2:74362527-74375039	-0.0525895	0.999791
XLOC_006710	XLOC_006710	HAUS4	chr14:23415436-23426351	-0.0525585	0.999791
XLOC_001756	XLOC_001756	LOC100286793	chr1:143718512-143744587	-0.0525725	0.999791
XLOC_001879	XLOC_001879	SHC1	chr1:154934773-154946959	-0.0525507	0.999791

XLOC_011407	XLOC_011407	FBXL12	chr19:9920942-9929731	-0.0525231	0.999791
XLOC_013444	XLOC_013444	HDAC4	chr2:239969863-240322643	-0.0525109	0.999791
XLOC_021042	XLOC_021042	TMED4	chr7:44618761-44621827	-0.0525028	0.999791
XLOC_021250	XLOC_021250	SRPK2	chr7:104756822-105029341	-0.0524607	0.999791
XLOC_007951	XLOC_007951	NOMO1	chr16:14927642-14990014	-0.0524248	0.999791
XLOC_016862	XLOC_016862	LAMTOR3	chr4:100799494-100815703	-0.0524212	0.999791
XLOC_020641	XLOC_020641	CNPY4	chr7:99690403-99723128	-0.0524012	0.999791
XLOC_005757	XLOC_005757	DIABLO	chr12:122692208-122712068	-0.0523448	0.999791
XLOC_000757	XLOC_000757	MTX1	chr1:155178489-155197325	-0.0523031	0.999791
XLOC_011810	XLOC_011810	RPL18	chr19:49118583-49133663	-0.0522214	0.999791
XLOC_010009	XLOC_010009	LGALS3BP	chr17:76967334-76976061	-0.0522171	0.999791
XLOC_008758	XLOC_008758	PAFAH1B1	chr17:2496922-2588909	-0.0521174	0.999791
XLOC_005851	XLOC_005851	NBEA	chr13:35516423-36705514	-0.0520811	1
XLOC_007411	XLOC_007411	LOC100507118	chr15:91509267-91537881	-0.0519697	0.999791
XLOC_012689	XLOC_012689	SP100	chr2:231280870-231410317	-0.0519584	0.999791
XLOC_011552	XLOC_011552	PBX4	chr19:19672515-19729725	-0.0519374	0.999791
XLOC_001194	XLOC_001194	SDF4	chr1:1152287-1167447	-0.0519187	0.999791
XLOC_008003	XLOC_008003	RBBP6	chr16:24550907-24584183	-0.0518041	0.999791
XLOC_003219	XLOC_003219	IFITM2	chr11:308106-309410	-0.0517565	0.999791
XLOC_021029	XLOC_021029	COA1	chr7:43670750-43769140	-0.0517418	0.999791
XLOC_016730	XLOC_016730	COMMD8	chr4:47452810-47465676	-0.0517119	0.999791
XLOC_009580	XLOC_009580	FAM222B	chr17:27082995-27169841	-0.0517048	0.999791
XLOC_016060	XLOC_016060	EIF5A2	chr3:170606203-170626426	-0.0516567	0.999791
XLOC_022836	XLOC_022836	FBXO10	chr9:37510888-37576250	-0.0516326	0.999791
XLOC_000869	XLOC_000869	C1orf112	chr1:169764549-169863100	-0.0516325	0.999791
XLOC_000697	XLOC_000697	SNX27	chr1:151584661-151671559	-0.0516259	0.999791
XLOC_014995	XLOC_014995	TGFBR2	chr3:30647993-30735633	-0.0515857	0.999791
XLOC_003496	XLOC_003496	ZDHHC5	chr1:157435473-157468659	-0.0515762	0.999791
XLOC_015419	XLOC_015419	RSRC1	chr3:157827840-158262624	-0.0515439	0.999791
XLOC_002116	XLOC_002116	KDM5B	chr1:202696531-202777549	-0.0515367	0.999791
XLOC_004461	XLOC_004461	C11orf75	chr1:193211638-93276546	-0.0514769	0.999791
XLOC_009360	XLOC_009360	METRNL	chr17:81037566-81052591	-0.0513981	0.999791
XLOC_008707	XLOC_008707	GINS2	chr16:85711279-85722588	-0.0513841	0.999791
XLOC_000982	XLOC_000982	PPFIA4	chr1:203020310-203047864	-0.05135	1
XLOC_018367	XLOC_018367	PHF3	chr6:64356430-64424405	-0.051347	0.999791
XLOC_010823	XLOC_010823	ZNF527	chr19:37862058-37883966	-0.0512468	0.999791
XLOC_020748	XLOC_020748	AHCYL2	chr7:128864854-129070052	-0.0512016	0.999791
XLOC_015606	XLOC_015606	SGOL1	chr3:20202084-20227919	-0.0511963	0.999791
XLOC_005345	XLOC_005345	GYS2	chr12:21689122-21757781	-0.0511827	1
XLOC_008522	XLOC_008522	ZNF688	chr16:30581018-30583728	-0.0511459	0.999791
XLOC_001064	XLOC_001064	MIA3	chr1:222791443-222841351	-0.0511404	0.999791
XLOC_001523	XLOC_001523	LRRC41	chr1:46713366-46769038	-0.0510994	0.999791
XLOC_013939	XLOC_013939	TRPC4AP	chr20:33543703-33680618	-0.0510858	0.999791
XLOC_009473	XLOC_009473	HES7	chr17:8023907-8027410	-0.0510733	0.999791
XLOC_008077	XLOC_008077	TGFB11	chr16:31483475-31489281	-0.0510706	0.999791
XLOC_021951	XLOC_021951	FUT10	chr8:33228343-33330664	-0.0510566	0.999791
XLOC_017216	XLOC_017216	MSH3	chr5:79922044-80172634	-0.0510409	0.999791
XLOC_023556	XLOC_023556	ATG4A	chrX:107334898-107397901	-0.0510152	0.999791
XLOC_012719	XLOC_012719	DGKD	chr2:234263152-234380743	-0.0509999	0.999791
XLOC_014912	XLOC_014912	CHKB,CPT1B	chr22:51007289-51021428	-0.0509922	0.999791
XLOC_017342	XLOC_017342	FAM53C	chr5:137673223-137685418	-0.0509686	0.999791
XLOC_009434	XLOC_009434	LOC728392	chr17:5402746-5404319	-0.0509235	0.999791
XLOC_007296	XLOC_007296	PML	chr15:74287013-74340155	-0.0509167	0.999791
XLOC_000240	XLOC_000240	PTPRU	chr1:29563027-29653325	-0.0509121	0.999791
XLOC_014238	XLOC_014238	HSPA13	chr21:15743436-15755509	-0.0509024	0.999791
XLOC_013137	XLOC_013137	WDR33	chr2:128461807-128568761	-0.0508976	0.999791
XLOC_000532	XLOC_000532	HIAT1	chr1:100503788-100548929	-0.0508534	0.999791
XLOC_002813	XLOC_002813	USP6NL	chr10:11502508-11653679	-0.0508208	0.999791
XLOC_005885	XLOC_005885	LRCH1	chr13:47127295-47327175	-0.0508075	0.999791
XLOC_015024	XLOC_015024	ACVR2B	chr3:38492517-38534633	-0.0507501	0.999791
XLOC_006349	XLOC_006349	TMX1	chr14:51706885-51724372	-0.0507485	0.999791
XLOC_019199	XLOC_019199	PHF10	chr6:170102256-170124106	-0.0507044	0.999791
XLOC_007937	XLOC_007937	NUBP1	chr16:10837697-10912621	-0.0506591	0.999791
XLOC_009106	XLOC_009106	FZD2	chr17:42634811-42638630	-0.0506431	0.999791
XLOC_016338	XLOC_016338	LOC550112	chr4:68566995-68588222	-0.0506144	0.999791
XLOC_012253	XLOC_012253	INO80B,WBP1	chr2:74682149-74688018	-0.0505811	0.999791
XLOC_000915	XLOC_000915	XPR1	chr1:180601145-180859415	-0.0505662	0.999791
XLOC_015678	XLOC_015678	SCAP	chr3:47455183-47517445	-0.0505096	0.999791
XLOC_011843	XLOC_011843	IRF3	chr19:50162825-50177173	-0.0505021	0.999791
XLOC_007173	XLOC_007173	CCNDBP1	chr15:43477465-43489375	-0.0504968	0.999791
XLOC_003910	XLOC_003910	TIRAP	chr11:126152981-126164828	-0.050488	0.999791
XLOC_003835	XLOC_003835	PAFAH1B2	chr1:117014999-117047592	-0.0504822	0.999791
XLOC_009764	XLOC_009764	DUSP3	chr17:41843488-41856368	-0.0504379	0.999791
XLOC_007801	XLOC_007801	VIMP	chr15:101811213-101817700	-0.0504312	0.999791
XLOC_011764	XLOC_011764	DMPK	chr19:46272975-46285815	-0.0504259	0.999791
XLOC_001807	XLOC_001807	CERS2	chr1:150937648-150947479	-0.0504223	0.999791
XLOC_013371	XLOC_013371	NHEJ1	chr2:219940045-220025587	-0.0503858	0.999791
XLOC_003105	XLOC_003105	FGF8	chr10:103529886-103540126	-0.0503846	0.999791
XLOC_015697	XLOC_015697	IP6K2	chr3:48725435-48754711	-0.0503678	0.999791

XLOC_022318	XLOC_022318	PRSS3	chr9:33750463-33799229	-0.0502733	0.999791
XLOC_014486	XLOC_014486	TTC28-AS1	chr22:28315363-29075853	-0.0502654	0.999791
XLOC_013228	XLOC_013228	TLK1	chr2:171847332-172087824	-0.0502623	0.999791
XLOC_018909	XLOC_018909	MUT	chr6:49398072-49431041	-0.0501309	0.999791
XLOC_004175	XLOC_004175	KBTBD4	chr1:47586981-47606115	-0.0501131	0.999791
XLOC_019019	XLOC_019019	ATG5	chr6:106632351-106773695	-0.0500932	0.999791
XLOC_023061	XLOC_023061	ZBTB6	chr9:125670334-125675607	-0.050034	0.999791
XLOC_000303	XLOC_000303	CAP1	chr1:40506254-40538321	-0.0500322	0.999791
XLOC_020808	XLOC_020808	GSTK1	chr7:142960521-142966222	-0.0500199	0.999791
XLOC_015422	XLOC_015422	MFSD1	chr3:158519714-158547508	-0.0499944	0.999791
XLOC_009297	XLOC_009297	SPHK1	chr17:74380689-74383941	-0.049962	0.999791
XLOC_016868	XLOC_016868	PPP3CA	chr4:101944586-102268628	-0.0499543	0.999791
XLOC_021585	XLOC_021585	UBE2V2	chr8:48920994-48974454	-0.049914	0.999791
XLOC_002230	XLOC_002230	HIST3H2A	chr1:228645064-228645560	-0.0498779	0.999791
XLOC_022024	XLOC_022024	SNHG6	chr8:67782983-67837777	-0.0498405	0.999791
XLOC_017648	XLOC_017648	MOCS2	chr5:52393894-52405598	-0.049788	0.999791
XLOC_022518	XLOC_022518	COL27A1	chr9:116918230-117072975	-0.0497699	0.999791
XLOC_015592	XLOC_015592	SH3BP5	chr3:15295690-15382901	-0.0495587	0.999791
XLOC_022476	XLOC_022476	NR4A3	chr9:102584136-102629173	-0.049481	1
XLOC_007998	XLOC_007998	DCTN5	chr16:23652686-23685068	-0.0494733	0.999791
XLOC_023525	XLOC_023525	ARMCX5,ARMCX5-GPRASP2,GF	chrX:101854095-101972661	-0.0494694	0.999791
XLOC_000350	XLOC_000350	KIF2C	chr1:45205489-45233438	-0.0494403	0.999791
XLOC_015337	XLOC_015337	ATP2C1	chr3:130569368-130745646	-0.0494057	0.999791
XLOC_018467	XLOC_018467	DCBLD1	chr6:117803819-117923705	-0.0493605	0.999791
XLOC_011496	XLOC_011496	NOTCH3	chr19:15270443-15311792	-0.0493551	1
XLOC_000893	XLOC_000893	ZBTB37	chr1:173837492-173855774	-0.0493424	1
XLOC_010287	XLOC_010287	PPP4R1	chr18:9546788-9614605	-0.0493154	0.999791
XLOC_017547	XLOC_017547	TPPP	chr5:659976-693510	-0.0492786	0.999791
XLOC_004760	XLOC_004760	AEBP2	chr12:19592607-19675173	-0.0492683	0.999791
XLOC_023063	XLOC_023063	MIR600HG	chr9:125871772-125877756	-0.0492457	0.999791
XLOC_004509	XLOC_004509	CWF19L2	chr11:107197071-107328572	-0.0492441	0.999791
XLOC_000685	XLOC_000685	BNIP1	chr1:151009028-151020076	-0.0492137	1
XLOC_006135	XLOC_006135	INTS6	chr13:51915167-52027275	-0.049198	0.999791
XLOC_013508	XLOC_013508	AP5S1	chr20:3801170-3805954	-0.049192	0.999791
XLOC_013607	XLOC_013607	CBFA2T2	chr20:32077927-32237837	-0.049171	0.999791
XLOC_023473	XLOC_023473	PIN4	chrX:71401525-71483814	-0.049169	0.999791
XLOC_013933	XLOC_013933	PIGU	chr20:33148345-33265089	-0.0491597	0.999791
XLOC_017324	XLOC_017324	PHF15	chr5:133861797-133918918	-0.0491506	0.999791
XLOC_006401	XLOC_006401	CHURC1,CHURC1-FNTB,FNTB	chr14:65381078-65569413	-0.0491192	0.999791
XLOC_004030	XLOC_004030	FAM160A2	chr11:6232563-6255941	-0.0490554	0.999791
XLOC_002256	XLOC_002256	ARID4B	chr1:235330209-235491532	-0.0490127	0.999791
XLOC_013756	XLOC_013756	LSM14B	chr20:60697516-60710434	-0.0490126	0.999791
XLOC_000258	XLOC_000258	HDAC1	chr1:32757707-32799224	-0.0489815	0.999791
XLOC_000446	XLOC_000446	MIER1	chr1:67390577-67454302	-0.0489787	0.999791
XLOC_021952	XLOC_021952	TTI2	chr8:33342684-33370703	-0.0489493	0.999791
XLOC_011188	XLOC_011188	NAT14	chr19:55996556-55998935	-0.0488859	0.999791
XLOC_003013	XLOC_003013	DLG5	chr10:79550548-79686348	-0.0488829	0.999791
XLOC_008211	XLOC_008211	DDX19B	chr16:70323669-70380650	-0.0488791	0.999791
XLOC_006815	XLOC_006815	DDHD1	chr14:53503457-53620046	-0.048826	0.999791
XLOC_013839	XLOC_013839	RNF24	chr20:3912068-3996216	-0.0488102	0.999791
XLOC_012875	XLOC_012875	ATL2	chr2:38522028-38604432	-0.0487933	0.999791
XLOC_017306	XLOC_017306	CDC42SE2	chr5:130599701-130730382	-0.0487487	0.999791
XLOC_017720	XLOC_017720	MTRNR2L2	chr5:79922044-80172634	-0.048724	0.999791
XLOC_007403	XLOC_007403	IQGAP1	chr15:90931472-91045475	-0.0487179	0.999791
XLOC_001810	XLOC_001810	SEMA6C	chr1:151104162-151119140	-0.0486659	0.999791
XLOC_020771	XLOC_020771	NUP205	chr7:135242661-135333499	-0.0486446	0.999791
XLOC_010940	XLOC_010940	MARK4	chr19:45754515-45808541	-0.0486406	0.999791
XLOC_009746	XLOC_009746	PTRF	chr17:40554466-40575338	-0.0486374	0.999791
XLOC_006424	XLOC_006424	PCNX	chr14:71374121-71582099	-0.0486216	0.999791
XLOC_007686	XLOC_007686	UBL7	chr15:74738317-74753529	-0.0485802	0.999791
XLOC_014309	XLOC_014309	ATP5O	chr21:35275756-35288158	-0.0485426	0.999791
XLOC_016861	XLOC_016861	TRMT10A	chr4:100467863-100485189	-0.0485069	0.999791
XLOC_015965	XLOC_015965	MSL2	chr3:135867759-135914688	-0.0483613	0.999791
XLOC_018861	XLOC_018861	OARD1	chr6:41034530-41040188	-0.0483385	0.999791
XLOC_004032	XLOC_004032	APBB1	chr11:6416354-6440644	-0.0483139	0.999791
XLOC_022437	XLOC_022437	ANKRD19P	chr9:95571892-95600739	-0.0483133	0.999791
XLOC_005718	XLOC_005718	TBX3	chr12:115108058-115121969	-0.0482663	0.999791
XLOC_007204	XLOC_007204	EID1	chr15:49115933-49255641	-0.0482131	0.999791
XLOC_022620	XLOC_022620	PRRC2B	chr9:134305476-134375575	-0.0481421	0.999791
XLOC_023842	XLOC_023842	SLC38A5	chrX:48316926-48328644	-0.0481051	0.999791
XLOC_016051	XLOC_016051	MECOM	chr3:168801286-169381563	-0.0480682	0.999791
XLOC_018691	XLOC_018691	ZNF322	chr6:26634610-26659980	-0.0480473	0.999791
XLOC_021457	XLOC_021457	TNKS	chr8:9413444-9639856	-0.0480421	0.999791
XLOC_000261	XLOC_000261	ZBTB8A	chr1:33004771-33071542	-0.0480195	0.999791
XLOC_016191	XLOC_016191	ADRA2C	chr4:3768295-3770253	-0.0479837	0.999791
XLOC_007506	XLOC_007506	SRP14	chr15:40327890-40331389	-0.0478183	0.999791
XLOC_024184	XLOC_024184	HCFC1	chrX:153213007-153236819	-0.0478012	0.999791
XLOC_022204	XLOC_022204	JRK	chr8:143738873-143751401	-0.0477859	0.999791
XLOC_021159	XLOC_021159	FAM133B	chr7:92190071-92219706	-0.0476255	0.999791

XLOC_015631	XLOC_015631	LRRFIP2	chr3:37094116-37217851	-0.0476191	0.999791
XLOC_013362	XLOC_013362	ZNF142	chr2:219502639-219524355	-0.0476176	0.999791
XLOC_012842	XLOC_012842	EIF2B4	chr2:27587218-27593324	-0.0475809	0.999791
XLOC_008173	XLOC_008173	TMEM208	chr16:67261015-67263182	-0.0475156	0.999791
XLOC_018742	XLOC_018742	PPP1R18	chr6:30644165-30655672	-0.0474803	0.999791
XLOC_015186	XLOC_015186	GXYLT2	chr3:72937384-73024522	-0.047389	0.999791
XLOC_001104	XLOC_001104	GNPAT	chr1:231359508-231413719	-0.0473633	0.999791
XLOC_009834	XLOC_009834	SPOP	chr17:47676245-47755525	-0.0473513	0.999791
XLOC_011684	XLOC_011684	NUMBL	chr19:41171811-41196556	-0.0473263	0.999791
XLOC_013541	XLOC_013541	CSRP2BP,PET117	chr20:18118498-18169031	-0.0473066	0.999791
XLOC_021975	XLOC_021975	KAT6A	chr8:41786996-41909505	-0.0472671	0.999791
XLOC_007991	XLOC_007991	LOC100132247	chr16:22524843-22547841	-0.0472567	0.999791
XLOC_013954	XLOC_013954	SOGA1	chr20:35405844-35492087	-0.0472497	0.999791
XLOC_010946	XLOC_010946	LOC100287177	chr19:46112657-46148775	-0.0471717	0.999791
XLOC_010890	XLOC_010890	ARHGFE1	chr19:42387266-42411604	-0.0471576	0.999791
XLOC_002526	XLOC_002526	SAMD8	chr10:76871392-76941881	-0.0471518	0.999791
XLOC_007537	XLOC_007537	TTBK2	chr15:43036541-43213007	-0.047133	1
XLOC_015474	XLOC_015474	EIF2B5	chr3:183852809-183863099	-0.0471119	0.999791
XLOC_009340	XLOC_009340	HGS	chr17:79650961-79669151	-0.0470797	0.999791
XLOC_000502	XLOC_000502	CDC7	chr1:91966403-91991321	-0.0470696	0.999791
XLOC_007936	XLOC_007936	ATF7IP2	chr16:10479911-10577495	-0.0469756	0.999791
XLOC_018880	XLOC_018880	PEX6	chr6:42928499-42946981	-0.0469453	0.999791
XLOC_013330	XLOC_013330	PLEKHM3	chr2:208686011-208890284	-0.046887	1
XLOC_014516	XLOC_014516	SFI1	chr22:31892124-32026810	-0.0468461	0.999791
XLOC_023714	XLOC_023714	IKBK2	chrX:153759605-153793261	-0.0467995	0.999791
XLOC_008472	XLOC_008472	COG7	chr16:23399813-23464512	-0.0467942	0.999791
XLOC_011651	XLOC_011651	HNRNPL	chr19:39327027-39342979	-0.0467768	0.999791
XLOC_007906	XLOC_007906	ZNF213	chr16:3185056-3192805	-0.0467732	0.999791
XLOC_016580	XLOC_016580	CEP44	chr4:175157809-175254531	-0.0467363	0.999791
XLOC_013475	XLOC_013475	ZCCHC3	chr20:278203-280963	-0.0467132	0.999791
XLOC_006193	XLOC_006193	DOCK9	chr13:99445740-99738660	-0.0466642	0.999791
XLOC_008631	XLOC_008631	CENPT	chr16:67862059-67905219	-0.0466335	0.999791
XLOC_005371	XLOC_005371	CAPRIN2	chr12:30862485-30907448	-0.046618	0.999791
XLOC_012682	XLOC_012682	MFF	chr2:228192227-228222549	-0.0465283	0.999791
XLOC_013512	XLOC_013512	SMOX	chr20:4129425-4168394	-0.0464378	0.999791
XLOC_008067	XLOC_008067	STX4	chr16:31044415-31051488	-0.0464281	0.999791
XLOC_016537	XLOC_016537	DKFZP43410714	chr4:153457415-153460415	-0.0463975	0.999791
XLOC_014923	XLOC_014923	ARL8B	chr3:5163929-5222601	-0.0463047	0.999791
XLOC_005139	XLOC_005139	DYNLL1	chr12:120907659-120936298	-0.0462759	0.999791
XLOC_007954	XLOC_007954	NPIP	chr16:15031299-15045931	-0.0462655	0.999791
XLOC_015869	XLOC_015869	ATG3	chr3:112251358-112280485	-0.046239	0.999791
XLOC_017808	XLOC_017808	Sorf15	chr5:133291197-133304406	-0.0462369	0.999791
XLOC_005754	XLOC_005754	LOC338799	chr12:122233172-122241390	-0.0461975	0.999791
XLOC_011431	XLOC_011431	DOCK6	chr19:11309968-11373168	-0.0461715	0.999791
XLOC_008503	XLOC_008503	HIRIP3	chr16:30003641-30007417	-0.0460504	0.999791
XLOC_008519	XLOC_008519	ZNF768	chr16:30535321-30537910	-0.0459799	0.999791
XLOC_001861	XLOC_001861	GATAD2B	chr1:153777202-153895451	-0.0459356	0.999791
XLOC_011310	XLOC_011310	TBXA2R	chr19:3594503-3606831	-0.0459243	0.999791
XLOC_016541	XLOC_016541	MND1	chr4:154265800-154336247	-0.0459241	0.999791
XLOC_016526	XLOC_016526	LSM6	chr4:147096834-147111213	-0.0459036	0.999791
XLOC_006320	XLOC_006320	SRP54	chr14:35452103-35498773	-0.0458948	0.999791
XLOC_013901	XLOC_013901	ABHD1	chr20:25228705-25371618	-0.0458837	0.999791
XLOC_013105	XLOC_013105	ANAPC1	chr2:112525213-112641741	-0.0457949	0.999791
XLOC_009983	XLOC_009983	SRP68	chr17:74034855-74068607	-0.045757	0.999791
XLOC_000946	XLOC_000946	CDC73	chr1:193091087-193223942	-0.0457034	0.999791
XLOC_021084	XLOC_021084	ERV3-1,ZNF117	chr7:64434829-64467124	-0.0456565	0.999791
XLOC_010099	XLOC_010099	TGIF1	chr18:3412071-3458406	-0.0456527	0.999791
XLOC_000284	XLOC_000284	ADPRHL2	chr1:36554452-36559533	-0.045627	0.999791
XLOC_005961	XLOC_005961	MBNL2	chr13:97874549-98046374	-0.0456017	0.999791
XLOC_010923	XLOC_010923	CEACAM19	chr19:45174723-45187627	-0.0455903	0.999791
XLOC_002725	XLOC_002725	INPP5F	chr10:121485558-121588662	-0.045575	0.999791
XLOC_020943	XLOC_020943	ANKMY2	chr7:16639400-16685442	-0.0455576	0.999791
XLOC_014615	XLOC_014615	ARHGAP8,PRR5,PRR5-ARHGAP	chr22:45064426-45258664	-0.0455205	0.999791
XLOC_020926	XLOC_020926	KDELR2	chr7:6500711-6523849	-0.0455133	0.999791
XLOC_021104	XLOC_021104	BCL7B	chr7:72950682-72972065	-0.0454305	0.999791
XLOC_012623	XLOC_012623	RPE	chr2:210867351-2111036051	-0.0454056	0.999791
XLOC_009651	XLOC_009651	PCGF2	chr17:36886509-36904558	-0.0453602	0.999791
XLOC_020746	XLOC_020746	TSPAN33	chr7:128784711-128809534	-0.04535	0.999791
XLOC_004996	XLOC_004996	ATXN7L3B	chr12:74931550-74935232	-0.0453483	0.999791
XLOC_023458	XLOC_023458	DLG3	chrX:69664704-69725339	-0.0453279	0.999791
XLOC_013525	XLOC_013525	PLCB4	chr20:9049700-9461462	-0.0452814	0.999791
XLOC_007549	XLOC_007549	ELL3	chr15:44038589-44094769	-0.0452565	0.999791
XLOC_013858	XLOC_013858	JAG1	chr20:10618331-10654694	-0.0452423	0.999791
XLOC_018595	XLOC_018595	FGFR1OP	chr6:167412815-167454066	-0.0452393	0.999791
XLOC_021157	XLOC_021157	KRIT1	chr7:91828282-91875414	-0.0452214	0.999791
XLOC_020331	XLOC_020331	SUN1	chr7:855193-914557	-0.0451135	0.999791
XLOC_013673	XLOC_013673	PKIG	chr20:43160435-43247678	-0.0451129	0.999791
XLOC_023408	XLOC_023408	MAGED1	chrX:51546154-51645450	-0.0450772	0.999791
XLOC_012746	XLOC_012746	GPR35	chr2:241544824-241570676	-0.0450593	0.999791

XLOC_023099	XLOC_023099	GOLGA2	chr9:131018107-131038268	-0.044999	0.999791
XLOC_013013	XLOC_013013	CAPG	chr2:85621870-85641197	-0.0449909	0.999791
XLOC_005775	XLOC_005775	CCDC92	chr12:124420954-124457163	-0.0449509	0.999791
XLOC_011254	XLOC_011254	MGC2752	chr19:59086765-59095762	-0.0449302	0.999791
XLOC_018739	XLOC_018739	GNL1	chr6:30509154-30532473	-0.0449092	0.999791
XLOC_021031	XLOC_021031	POLR2J4	chr7:43966034-44058748	-0.044897	0.999791
XLOC_005513	XLOC_005513	SARNP	chr12:56137063-56211540	-0.0448362	0.999791
XLOC_011246	XLOC_011246	RPS5	chr19:58898635-58906171	-0.0447254	0.999791
XLOC_022926	XLOC_022926	AUH	chr9:93976096-94124206	-0.0446405	0.999791
XLOC_000220	XLOC_000220	GPR3	chr1:27719147-27722317	-0.0446382	0.999791
XLOC_000733	XLOC_000733	INTS3	chr1:153700566-153746555	-0.0446304	0.999791
XLOC_022664	XLOC_022664	EGFL7	chr9:139553307-139567130	-0.0445091	0.999791
XLOC_013381	XLOC_013381	DNPEP	chr2:220238179-220252662	-0.0444882	0.999791
XLOC_009772	XLOC_009772	ASB16-AS1	chr17:42248073-42264085	-0.044461	0.999791
XLOC_011280	XLOC_011280	MBD3	chr19:1576677-1592652	-0.0443956	0.999791
XLOC_016408	XLOC_016408	COPS4	chr4:83956238-83996971	-0.0443952	0.999791
XLOC_010878	XLOC_010878	HNRNPUL1	chr19:41768390-41813811	-0.0443559	0.999791
XLOC_010417	XLOC_010417	PQLC1	chr18:77662419-77711653	-0.0443472	0.999791
XLOC_020973	XLOC_020973	SKAP2	chr7:26706687-26904341	-0.0443093	0.999791
XLOC_005966	XLOC_005966	UBAC2	chr13:99848627-100058554	-0.0442808	0.999791
XLOC_000282	XLOC_000282	AGO3	chr1:36396682-36522063	-0.0442738	0.999791
XLOC_006076	XLOC_006076	SUPT20H	chr13:37574677-37633850	-0.0442478	0.999791
XLOC_022106	XLOC_022106	UQCRB	chr8:97238903-97247862	-0.0442409	0.999791
XLOC_001256	XLOC_001256	CLSTN1	chr1:9711789-9884550	-0.0442169	0.999791
XLOC_011919	XLOC_011919	ZNF600	chr19:53268747-53290034	-0.0442066	0.999791
XLOC_001429	XLOC_001429	TMEM54	chr1:33352097-33366953	-0.0441693	0.999791
XLOC_001968	XLOC_001968	USF1	chr1:161009040-161015769	-0.044169	0.999791
XLOC_015585	XLOC_015585	CHCHD4	chr3:14153576-14166371	-0.044141	0.999791
XLOC_003964	XLOC_003964	IFITM10	chr11:1490684-1785501	-0.0441404	0.999791
XLOC_004392	XLOC_004392	CLPB	chr11:72003469-72145724	-0.0441257	0.999791
XLOC_017783	XLOC_017783	CEP120	chr5:122680578-122759286	-0.0441246	0.999791
XLOC_002506	XLOC_002506	SLC29A3	chr10:73079009-73123147	-0.0441165	0.999791
XLOC_005909	XLOC_005909	CKAP2	chr13:53029494-53050763	-0.0441139	0.999791
XLOC_013684	XLOC_013684	PIGT	chr20:44044706-44054885	-0.0441076	0.999791
XLOC_004035	XLOC_004035	ARFIP2	chr11:6495912-6505911	-0.0441024	0.999791
XLOC_001533	XLOC_001533	STIL	chr1:47715810-47779819	-0.0440696	0.999791
XLOC_011960	XLOC_011960	SYT5	chr19:55684468-55691720	-0.0440529	1
XLOC_003846	XLOC_003846	ATPSL	chr11:118230295-118289530	-0.0440463	0.999791
XLOC_009075	XLOC_009075	TUBG2	chr17:40811265-40819024	-0.0439415	0.999791
XLOC_020590	XLOC_020590	DBF4	chr7:87463813-87538856	-0.0439295	0.999791
XLOC_015659	XLOC_015659	TMEM158	chr3:45265955-45267814	-0.0438795	0.999791
XLOC_006754	XLOC_006754	STRN3	chr14:31363004-31365656	-0.0438402	0.999791
XLOC_017185	XLOC_017185	FCHO2	chr5:72251807-72386349	-0.043805	0.999791
XLOC_018490	XLOC_018490	RNF146	chr6:127587826-127609705	-0.0437765	0.999791
XLOC_003533	XLOC_003533	TMEM109	chr11:60681370-60690915	-0.0437499	0.999791
XLOC_022357	XLOC_022357	FAM201A	chr9:38621084-38623277	-0.0437438	0.999791
XLOC_021694	XLOC_021694	VPS13B	chr8:100025493-100889814	-0.0437212	0.999791
XLOC_003653	XLOC_003653	RHOD	chr11:66824288-66839488	-0.0437047	0.999791
XLOC_001360	XLOC_001360	IFNLR1	chr1:24480646-24513765	-0.043655	0.999791
XLOC_001817	XLOC_001817	POGZ	chr1:151375199-151431941	-0.0435985	0.999791
XLOC_021371	XLOC_021371	FAM115A	chr7:143548460-143599278	-0.0435828	0.999791
XLOC_013499	XLOC_013499	PTPRA,VPS16	chr20:2815960-3019315	-0.0435498	0.999791
XLOC_022697	XLOC_022697	ARRDC1	chr9:140500095-140513308	-0.0434734	0.999791
XLOC_018750	XLOC_018750	PSORS1C2	chr6:31082607-31107869	-0.043438	1
XLOC_022896	XLOC_022896	TLE1	chr9:84198597-84303596	-0.0433969	0.999791
XLOC_008365	XLOC_008365	CEMP1	chr16:2570362-2581409	-0.0433133	0.999791
XLOC_008756	XLOC_008756	SRR	chr17:2207247-2240678	-0.0432973	0.999791
XLOC_015372	XLOC_015372	ACPL2	chr3:140950681-141013486	-0.0432876	0.999791
XLOC_013467	XLOC_013467	THAP4	chr2:242523819-242576725	-0.0432634	0.999791
XLOC_004523	XLOC_004523	PPP2R1B	chr11:111473169-111637169	-0.0432365	0.999791
XLOC_016195	XLOC_016195	MSX1	chr4:4861391-4865660	-0.0430949	0.999791
XLOC_009984	XLOC_009984	EXOC7	chr17:74075262-74099868	-0.0430594	0.999791
XLOC_007868	XLOC_007868	SLC9A3R2	chr16:2076868-2089027	-0.0430584	0.999791
XLOC_022533	XLOC_022533	DAB2IP	chr9:124329398-124547809	-0.0430571	0.999791
XLOC_021980	XLOC_021980	THAP1	chr8:42691816-42698474	-0.0430552	0.999791
XLOC_000385	XLOC_000385	FOXD2	chr1:47901688-47906363	-0.0429557	0.999791
XLOC_017859	XLOC_017859	HARS	chr5:140053489-140078890	-0.0429521	0.999791
XLOC_012840	XLOC_012840	MPV17	chr2:27532359-27545969	-0.0429114	0.999791
XLOC_020781	XLOC_020781	UBN2	chr7:138916230-138992982	-0.042867	0.999791
XLOC_004612	XLOC_004612	ACRV1	chr11:125495030-125550793	-0.0428126	1
XLOC_013437	XLOC_013437	RAB17	chr2:238482964-238499769	-0.0428062	1
XLOC_004792	XLOC_004792	DDX11	chr12:311173696-31257725	-0.0427798	0.999791
XLOC_007851	XLOC_007851	TELO2	chr16:1543351-1662109	-0.0427246	0.999791
XLOC_022062	XLOC_022062	IMPA1	chr8:82569150-82598589	-0.0427043	0.999791
XLOC_003920	XLOC_003920	APLP2	chr11:129939715-130014706	-0.0426774	0.999791
XLOC_017266	XLOC_017266	APC	chr5:112043201-112181936	-0.0426555	0.999791
XLOC_016624	XLOC_016624	GAK	chr4:843064-926174	-0.0426048	0.999791
XLOC_001178	XLOC_001178	WASH7P	chr1:11873-29370	-0.0425897	0.999791
XLOC_023102	XLOC_023102	WDR34	chr9:131314836-131419129	-0.0425768	0.999791

XLOC_012709	XLOC_012709	EIF4E2	chr2:233415356-233433920	-0.0425242	0.999791
XLOC_023381	XLOC_023381	CCDC22	chrX:49091926-49121288	-0.0425177	0.999791
XLOC_002119	XLOC_002119	ADIPOR1	chr1:202909959-202927700	-0.0425019	0.999791
XLOC_013761	XLOC_013761	RPS21	chr20:60962120-60963576	-0.0424725	0.999791
XLOC_019032	XLOC_019032	ZBTB24	chr6:109783718-109804440	-0.0424719	0.999791
XLOC_014353	XLOC_014353	SIK1	chr21:44834397-44847002	-0.0424272	0.999791
XLOC_000070	XLOC_000070	TMEM201	chr1:9648931-9674935	-0.0424251	0.999791
XLOC_012513	XLOC_012513	METAP1D	chr2:172864803-172945587	-0.0423914	0.999791
XLOC_007734	XLOC_007734	EFTUD1	chr15:82422560-82555104	-0.0423907	0.999791
XLOC_019041	XLOC_019041	TRAF3IP2	chr6:111804674-111927477	-0.0423545	0.999791
XLOC_008774	XLOC_008774	MED11	chr17:4634722-4643223	-0.0423393	0.999791
XLOC_008059	XLOC_008059	PHKG2	chr16:30759619-30787628	-0.0423162	0.999791
XLOC_019077	XLOC_019077	EPB41L2	chr6:131160487-131384462	-0.0422824	0.999791
XLOC_022479	XLOC_022479	MSANTD3,MSANTD3-TMEFF1,TI	chr9:103189494-103339918	-0.0422622	0.999791
XLOC_017357	XLOC_017357	ANKHD1,ANKHD1-EIF4EBP3,EIF	chr5:139781398-139929163	-0.0422544	0.999791
XLOC_021146	XLOC_021146	TMEM243	chr7:86781676-86849031	-0.0422388	0.999791
XLOC_021990	XLOC_021990	RB1CC1	chr8:53535017-53627026	-0.0422277	0.999791
XLOC_009943	XLOC_009943	SLC39A11	chr17:70642084-71088853	-0.0421123	0.999791
XLOC_017965	XLOC_017965	RNF44	chr5:175953699-175964421	-0.0420681	0.999791
XLOC_004348	XLOC_004348	RBM4B	chr11:66384052-66445275	-0.0420631	0.999791
XLOC_011300	XLOC_011300	GNP7	chr19:2511217-2702746	-0.0420435	0.999791
XLOC_012972	XLOC_012972	MCEE	chr2:71336805-71357394	-0.0419782	0.999791
XLOC_008632	XLOC_008632	CTRL	chr16:67927174-67965778	-0.0419413	0.999791
XLOC_014415	XLOC_014415	DGCR8	chr22:20067754-20104818	-0.0419038	0.999791
XLOC_007380	XLOC_007380	AKAP13	chr15:85923846-86292589	-0.0418554	0.999791
XLOC_009218	XLOC_009218	TLK2	chr17:60556385-60692841	-0.0417672	0.999791
XLOC_010259	XLOC_010259	CTDP1	chr18:77439800-77514510	-0.0417573	0.999791
XLOC_006316	XLOC_006316	ARHGAP5	chr14:32546494-32628934	-0.0417394	0.999791
XLOC_003633	XLOC_003633	SART1	chr11:65729159-65747607	-0.0417384	0.999791
XLOC_007165	XLOC_007165	MAPKBP1	chr15:42066631-42120053	-0.0417345	0.999791
XLOC_012109	XLOC_012109	SLC4A1AP	chr2:27848505-27917847	-0.0417267	0.999791
XLOC_008398	XLOC_008398	UBALD1	chr16:4658883-4664927	-0.0416807	0.999791
XLOC_021190	XLOC_021190	ATP5J2,ATP5J2-PTCD1,PTCD1	chr7:99006600-99063824	-0.0416289	0.999791
XLOC_005434	XLOC_005434	TUBA1A	chr12:49578577-49583107	-0.0416185	0.999791
XLOC_015770	XLOC_015770	CHDH	chr3:53850323-53880420	-0.0416098	0.999791
XLOC_022942	XLOC_022942	NINJ1	chr9:95883770-95896570	-0.0415515	0.999791
XLOC_006834	XLOC_006834	TIMMS9	chr14:58862643-59015549	-0.0415127	0.999791
XLOC_009217	XLOC_009217	METTL2A	chr17:60501245-60527454	-0.0414507	0.999791
XLOC_001564	XLOC_001564	CYB5RL	chr1:54638026-54665746	-0.0414351	0.999791
XLOC_021774	XLOC_021774	C8orf31	chr8:144120678-144135720	-0.0413807	0.999791
XLOC_020785	XLOC_020785	LOC100134229	chr7:139877060-139879440	-0.0413568	0.999791
XLOC_022600	XLOC_022600	FAM73B	chr9:131799252-131834351	-0.0412963	0.999791
XLOC_007387	XLOC_007387	AEN	chr15:89164526-89175512	-0.0412573	0.999791
XLOC_007783	XLOC_007783	PRC1	chr15:91509267-91537881	-0.0412181	0.999791
XLOC_023096	XLOC_023096	CIZ1	chr9:130928343-131017527	-0.0412106	0.999791
XLOC_011698	XLOC_011698	RABAC1	chr19:42460832-42463528	-0.0411841	0.999791
XLOC_007524	XLOC_007524	RPAP1	chr15:41809374-41836464	-0.0411726	0.999791
XLOC_023134	XLOC_023134	MED22	chr9:136207754-136214972	-0.0411644	0.999791
XLOC_017980	XLOC_017980	DDX41	chr5:176938577-176943967	-0.0411167	0.999791
XLOC_013771	XLOC_013771	SLC17A9	chr20:61583998-61599949	-0.0410605	0.999791
XLOC_018825	XLOC_018825	NUDT3,RPS10,RPS10-NUDT3	chr6:34254972-34393902	-0.0410592	0.999791
XLOC_015057	XLOC_015057	TCAIM	chr3:44379610-44450940	-0.0410464	0.999791
XLOC_004341	XLOC_004341	BRMS1	chr11:66104803-66112582	-0.0410446	0.999791
XLOC_014883	XLOC_014883	KIAA0930	chr22:45588122-45636650	-0.0409201	0.999791
XLOC_014307	XLOC_014307	DONSON	chr21:34949858-34961014	-0.0408348	0.999791
XLOC_018393	XLOC_018393	RWDD2A	chr6:83777384-83906256	-0.0408229	0.999791
XLOC_020918	XLOC_020918	RNF216	chr7:5659671-5821361	-0.0408166	0.999791
XLOC_017177	XLOC_017177	BDP1	chr5:70751441-70863649	-0.040798	0.999791
XLOC_009760	XLOC_009760	LOC100130581	chr17:41447212-41466266	-0.0407963	0.999791
XLOC_004922	XLOC_004922	RPL41	chr12:56510373-56511616	-0.0407894	0.999791
XLOC_010525	XLOC_010525	TRIP10	chr19:6739706-6751529	-0.0407541	0.999791
XLOC_006182	XLOC_006182	TGDS	chr13:95226307-95248511	-0.0407486	0.999791
XLOC_014870	XLOC_014870	PACSIN2	chr22:43265771-43411184	-0.040719	0.999791
XLOC_003763	XLOC_003763	SCARNA9	chr11:93394815-93463522	-0.0406562	0.999791
XLOC_020739	XLOC_020739	CCDC136	chr7:128431463-128462187	-0.0406258	0.999791
XLOC_023711	XLOC_023711	GDI1	chrX:153665258-153671814	-0.0406256	0.999791
XLOC_021419	XLOC_021419	PTPRN2	chr7:157331749-158380482	-0.0405936	0.999791
XLOC_017890	XLOC_017890	PDE6A	chr5:149237518-149324356	-0.0405259	1
XLOC_019042	XLOC_019042	FYN	chr6:111981534-112194655	-0.0405257	0.999791
XLOC_017157	XLOC_017157	ERBB2IP	chr5:65222381-65376851	-0.0405035	0.999791
XLOC_001308	XLOC_001308	ATP13A2	chr1:17312452-17338423	-0.0404619	0.999791
XLOC_022460	XLOC_022460	HABP4	chr9:99212413-99253618	-0.0404571	0.999791
XLOC_007126	XLOC_007126	EMC4	chr15:34517244-34630265	-0.0404506	0.999791
XLOC_018802	XLOC_018802	TAP1	chr6:32808493-32821748	-0.0404492	0.999791
XLOC_015313	XLOC_015313	MCM2	chr3:127317199-127341278	-0.0404056	0.999791
XLOC_010289	XLOC_010289	MPPE1	chr18:11689013-11908796	-0.0403867	0.999791
XLOC_018594	XLOC_018594	LOC100289495	chr6:166756118-166764957	-0.0403437	1
XLOC_022440	XLOC_022440	C9orf89	chr9:95858449-95875565	-0.0403204	0.999791
XLOC_009484	XLOC_009484	RPL26	chr17:8280833-8286565	-0.0402686	0.999791

XLOC_008896	XLOC_008896	SMCR8	chr17:18218593-18266856	-0.0402678	0.999791
XLOC_003674	XLOC_003674	IGHMBP2	chr11:68671318-68708069	-0.0402407	0.999791
XLOC_018316	XLOC_018316	POLH	chr6:43543877-43596936	-0.0402293	0.999791
XLOC_009237	XLOC_009237	PRKCA	chr17:64298925-64806862	-0.0401913	0.999791
XLOC_013596	XLOC_013596	DNMT3B	chr20:31350190-31397162	-0.0401336	0.999791
XLOC_016265	XLOC_016265	ANAPC4	chr4:25378847-25420120	-0.0401238	0.999791
XLOC_011403	XLOC_011403	ZNF561	chr19:9718001-9731916	-0.0400524	0.999791
XLOC_004272	XLOC_004272	TMEM223	chr11:62554873-62559486	-0.0400425	0.999791
XLOC_009346	XLOC_009346	MAFG-AS1	chr17:79885704-79888629	-0.040013	0.999791
XLOC_015875	XLOC_015875	SPICE1	chr3:113161564-113234034	-0.0400095	0.999791
XLOC_006385	XLOC_006385	MNAT1	chr14:61201458-61435398	-0.0399766	0.999791
XLOC_009242	XLOC_009242	PITPNC1	chr17:65373396-65693379	-0.0399719	0.999791
XLOC_018231	XLOC_018231	BRD2	chr6:32936436-32949282	-0.0399541	0.999791
XLOC_009972	XLOC_009972	GALK1	chr17:73754017-73761280	-0.0399152	0.999791
XLOC_009653	XLOC_009653	CWC25	chr17:36956686-36981603	-0.0399131	0.999791
XLOC_020600	XLOC_020600	FZD1	chr7:90893782-90898132	-0.0398954	0.999791
XLOC_007535	XLOC_007535	LRRC57	chr15:42834719-42841002	-0.0398947	0.999791
XLOC_002319	XLOC_002319	PFKP	chr10:3109711-3178997	-0.0398846	0.999791
XLOC_004087	XLOC_004087	CYP2R1	chr11:14899555-14913751	-0.0398765	0.999791
XLOC_021530	XLOC_021530	ELP3	chr8:27950583-28048669	-0.0398693	0.999791
XLOC_021541	XLOC_021541	WRN	chr8:30853320-31031277	-0.03986	0.999791
XLOC_014665	XLOC_014665	BID	chr22:18216905-18257431	-0.0398542	0.999791
XLOC_005109	XLOC_005109	TRAFD1	chr12:112563348-112591408	-0.0398344	0.999791
XLOC_014827	XLOC_014827	JOSD1	chr22:39081547-39096459	-0.0398133	0.999791
XLOC_017525	XLOC_017525	ZNF454	chr5:178368193-178393218	-0.0397845	1
XLOC_004572	XLOC_004572	CCDC153	chr11:19060962-19066584	-0.0397416	1
XLOC_016449	XLOC_016449	CISD2	chr4:103790134-103940896	-0.039698	0.999791
XLOC_009586	XLOC_009586	PHF12	chr17:27232270-27278508	-0.0396562	0.999791
XLOC_018119	XLOC_018119	HIST1H2AG	chr6:27100816-27101314	-0.0396073	0.999791
XLOC_010423	XLOC_010423	CDC34	chr19:531732-542087	-0.0395869	0.999791
XLOC_015969	XLOC_015969	DBR1	chr3:137879829-137893791	-0.0395467	0.999791
XLOC_012834	XLOC_012834	CGREF1	chr2:27309610-27341995	-0.0395015	0.999791
XLOC_016322	XLOC_016322	SRD5A3	chr4:56212387-56251747	-0.0394908	0.999791
XLOC_002633	XLOC_002633	R3HCC1L	chr10:99894380-100004654	-0.0394041	0.999791
XLOC_015876	XLOC_015876	KIAA2018	chr3:113367232-113415493	-0.0394018	0.999791
XLOC_005436	XLOC_005436	MCRS1	chr12:49952085-49961911	-0.0393389	0.999791
XLOC_011869	XLOC_011869	JOSD2	chr19:51009253-51014612	-0.0393361	0.999791
XLOC_012563	XLOC_012563	MFSD6	chr2:191273080-191367041	-0.0393283	0.999791
XLOC_002645	XLOC_002645	FAM178A	chr10:102672325-102724891	-0.0393221	0.999791
XLOC_001570	XLOC_001570	USP24	chr1:55532031-55681039	-0.0393201	0.999791
XLOC_003939	XLOC_003939	RNH1	chr11:494511-507283	-0.0392723	0.999791
XLOC_012576	XLOC_012576	C2orf69	chr2:200775978-200792996	-0.0392635	0.999791
XLOC_011670	XLOC_011670	FBL	chr19:40325092-40337054	-0.0392355	0.999791
XLOC_014161	XLOC_014161	DOPEY2	chr21:37536838-37666572	-0.0392142	0.999791
XLOC_000734	XLOC_000734	SLC27A3	chr1:153747767-153752633	-0.0391993	0.999791
XLOC_005700	XLOC_005700	PPP1CC	chr12:111157612-111180783	-0.0391774	0.999791
XLOC_018634	XLOC_018634	SSR1	chr6:7281287-7313541	-0.0391653	0.999791
XLOC_005017	XLOC_005017	TMTC3	chr12:88536072-88593664	-0.0391462	0.999791
XLOC_007250	XLOC_007250	ZNF609	chr15:64791618-64978266	-0.0390675	0.999791
XLOC_023196	XLOC_023196	LOC100129722	chr9:140144670-140147949	-0.0390152	0.999791
XLOC_024156	XLOC_024156	CXorf40B	chrX:149100414-149106716	-0.0389981	0.999791
XLOC_015029	XLOC_015029	SLC25A38	chr3:39424814-39438819	-0.0388616	0.999791
XLOC_000933	XLOC_000933	SWT1	chr1:185087217-185260913	-0.0388571	0.999791
XLOC_001295	XLOC_001295	FAM131C	chr1:16384263-16400127	-0.0388197	0.999791
XLOC_013468	XLOC_013468	DTYMK	chr2:242615156-242626383	-0.0387833	0.999791
XLOC_011849	XLOC_011849	IL4I1_NUP62	chr19:50392912-50437193	-0.038752	0.999791
XLOC_015197	XLOC_015197	CHMP2B	chr3:87276412-87304698	-0.0387507	0.999791
XLOC_002877	XLOC_002877	EPC1	chr10:32556643-32667726	-0.0387401	0.999791
XLOC_010508	XLOC_010508	UHRF1	chr19:4909509-4962165	-0.0387342	0.999791
XLOC_022920	XLOC_022920	SEMA4D	chr9:91975705-92094611	-0.0387028	0.999791
XLOC_004393	XLOC_004393	PDE2A	chr11:72287183-72385497	-0.0386963	1
XLOC_013017	XLOC_013017	C2orf68	chr2:85829964-85876407	-0.038659	0.999791
XLOC_002875	XLOC_002875	ARHGAP12	chr10:32094325-32217804	-0.0386472	0.999791
XLOC_020463	XLOC_020463	UBE2D4	chr7:43966034-44058748	-0.0385997	0.999791
XLOC_021818	XLOC_021818	LOC100287015	chr8:6261076-6264069	-0.0385577	0.999791
XLOC_023421	XLOC_023421	TSR2	chrX:54466852-54471731	-0.038544	0.999791
XLOC_000518	XLOC_000518	ABCD3	chr1:94883932-94984219	-0.0385311	0.999791
XLOC_013301	XLOC_013301	TYW5	chr2:200793633-200828847	-0.0385101	0.999791
XLOC_008609	XLOC_008609	DYNC1L12	chr16:66754798-66785525	-0.038479	0.999791
XLOC_001391	XLOC_001391	EYA3	chr1:28296854-28415148	-0.038473	0.999791
XLOC_001331	XLOC_001331	MUL1	chr1:20825940-20834674	-0.0384114	0.999791
XLOC_022227	XLOC_022227	PUF60	chr8:144898513-144911556	-0.0383085	0.999791
XLOC_005058	XLOC_005058	CHPT1	chr12:102091416-102133250	-0.0383034	0.999791
XLOC_008750	XLOC_008750	WDR81	chr17:1619816-1641893	-0.0383033	0.999791
XLOC_011554	XLOC_011554	GMIP	chr19:19740284-19754455	-0.0382749	0.999791
XLOC_018004	XLOC_018004	MAPK9	chr5:179660594-179719071	-0.0382352	0.999791
XLOC_018736	XLOC_018736	TRIM26	chr6:30152231-30181271	-0.038234	0.999791
XLOC_017862	XLOC_017862	DIAPH1	chr5:140894587-140998622	-0.0382211	0.999791
XLOC_005214	XLOC_005214	SLC6A13	chr12:329786-372039	-0.0381942	0.999791

XLOC_002249	XLOC_002249	PCNXL2	chr1:233119881-233431459	-0.038155	0.999791
XLOC_002014	XLOC_002014	METTL18	chr1:169761669-169764061	-0.03815	0.999791
XLOC_001110	XLOC_001110	KCNK1	chr1:233749749-233808258	-0.0381449	0.999791
XLOC_011981	XLOC_011981	ZNF787	chr19:56598731-56632649	-0.0381438	0.999791
XLOC_017375	XLOC_017375	PCDHB7	chr5:140552242-140555957	-0.0381102	0.999791
XLOC_015751	XLOC_015751	POC1A	chr3:52109248-52188706	-0.0381008	0.999791
XLOC_003723	XLOC_003723	UVRAG	chr11:75526211-75855282	-0.0380903	0.999791
XLOC_004125	XLOC_004125	KIF18A	chr11:28042162-28129746	-0.0380814	0.999791
XLOC_012750	XLOC_012750	PPP1R7	chr2:242089901-242122439	-0.0380609	0.999791
XLOC_020967	XLOC_020967	C7orf31	chr7:25174315-25219817	-0.038018	0.999791
XLOC_015170	XLOC_015170	ATXN7	chr3:63850232-63989136	-0.0379835	0.999791
XLOC_021736	XLOC_021736	FAM91A1	chr8:124780881-124827690	-0.0379668	0.999791
XLOC_020456	XLOC_020456	C7orf10	chr7:40174574-40900366	-0.0379574	1
XLOC_005728	XLOC_005728	WSB2	chr12:118470491-118498951	-0.0379299	0.999791
XLOC_018396	XLOC_018396	CYB5R4	chr6:84569369-84670146	-0.0378304	0.999791
XLOC_017843	XLOC_017843	SIL1	chr5:138282409-138534065	-0.0378126	0.999791
XLOC_011762	XLOC_011762	FBXO46	chr19:46213886-46234151	-0.0378059	0.999791
XLOC_007197	XLOC_007197	BLOC1S6	chr15:45879416-45901909	-0.0377708	0.999791
XLOC_006045	XLOC_006045	MTIF3	chr13:27998680-28024739	-0.0377495	0.999791
XLOC_021398	XLOC_021398	FASTK	chr7:150773707-150777970	-0.037716	0.999791
XLOC_012763	XLOC_012763	SH3YL1	chr2:218135-264068	-0.0376945	0.999791
XLOC_006792	XLOC_006792	RPS29	chr14:50044041-50053094	-0.0376484	0.999791
XLOC_022146	XLOC_022146	EIF3H	chr8:117657054-117768062	-0.0375411	0.999791
XLOC_013522	XLOC_013522	CRLS1	chr20:5986738-6020697	-0.037535	0.999791
XLOC_016874	XLOC_016874	BDH2	chr4:103988781-104021024	-0.0374301	0.999791
XLOC_016842	XLOC_016842	PPM1K	chr4:89178760-89205983	-0.0374276	0.999791
XLOC_012006	XLOC_012006	A1BG	chr19:58858171-58874214	-0.0373435	0.999791
XLOC_012634	XLOC_012634	RPL37A	chr2:21736319-217366188	-0.0373376	0.999791
XLOC_024195	XLOC_024195	FAM3A	chrX:153733326-153744566	-0.0373327	0.999791
XLOC_022084	XLOC_022084	TMEM64	chr8:91634222-91658133	-0.0373267	0.999791
XLOC_020648	XLOC_020648	PILRA	chr7:99971067-99997722	-0.0373231	0.999791
XLOC_008036	XLOC_008036	MAZ	chr16:29817416-29822504	-0.0373144	0.999791
XLOC_020875	XLOC_020875	LOC100132707	chr7:154720226-154794682	-0.0373141	0.999791
XLOC_000190	XLOC_000190	TMEM50A	chr1:25664788-25747363	-0.0372814	0.999791
XLOC_012081	XLOC_012081	GAREML	chr2:26395959-26412532	-0.0372439	0.999791
XLOC_003606	XLOC_003606	CAPN1	chr1:64948685-64979477	-0.0371886	0.999791
XLOC_014763	XLOC_014763	RNF215	chr22:30774802-30783302	-0.0371815	0.999791
XLOC_004856	XLOC_004856	NR4A1	chr12:52416615-52453291	-0.0371086	0.999791
XLOC_010224	XLOC_010224	KIAA1468	chr18:59854523-59974355	-0.0370938	0.999791
XLOC_004293	XLOC_004293	PLA2G16	chr1:63341943-63381941	-0.037091	0.999791
XLOC_022103	XLOC_022103	C8orf37	chr8:96257140-96822371	-0.0370611	0.999791
XLOC_011643	XLOC_011643	YIF1B	chr19:38794199-38806606	-0.0370402	0.999791
XLOC_010014	XLOC_010014	CBX8	chr17:77768175-77770915	-0.0369829	0.999791
XLOC_020574	XLOC_020574	DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P11	chr7:76610138-76653076	-0.0369021	0.999791
XLOC_011057	XLOC_011057	CLEC11A	chr19:51226604-51228981	-0.0367776	0.999791
XLOC_001032	XLOC_001032	RCOR3	chr1:211432707-211489725	-0.0367441	0.999791
XLOC_015477	XLOC_015477	ABCF3	chr3:183903862-183911795	-0.0366835	0.999791
XLOC_023528	XLOC_023528	LINC00630	chrX:102024094-102140338	-0.0366518	1
XLOC_010804	XLOC_010804	HCST	chr19:36393381-36395173	-0.0366202	0.999791
XLOC_023887	XLOC_023887	FGD1	chrX:54471886-54522599	-0.0366161	0.999791
XLOC_013562	XLOC_013562	GZF1	chr20:23345020-23353683	-0.0365759	0.999791
XLOC_005207	XLOC_005207	ZNF84	chr12:133613877-133639885	-0.0365194	0.999791
XLOC_022997	XLOC_022997	TMEM245	chr9:111777414-111882225	-0.0365165	0.999791
XLOC_022197	XLOC_022197	AGO2	chr8:141541263-141645646	-0.0363867	0.999791
XLOC_003814	XLOC_003814	C11orf1	chr11:111744779-111754797	-0.0363613	0.999791
XLOC_013713	XLOC_013713	RNF114	chr20:48552913-48570422	-0.0363141	0.999791
XLOC_017124	XLOC_017124	PARP8	chr5:49961732-50142356	-0.0362406	0.999791
XLOC_014689	XLOC_014689	DGCR6L	chr22:20301760-20307628	-0.0362066	0.999791
XLOC_007555	XLOC_007555	LOC645212	chr15:44826702-44829121	-0.0361916	0.999791
XLOC_013306	XLOC_013306	ORC2	chr2:201774893-201828424	-0.0361651	0.999791
XLOC_022134	XLOC_022134	LRP12	chr8:105501458-105601252	-0.0361463	0.999791
XLOC_001347	XLOC_001347	ZNF436	chr1:23685940-23698330	-0.0361042	0.999791
XLOC_008186	XLOC_008186	EDC4	chr16:67906925-67918417	-0.0361037	0.999791
XLOC_010043	XLOC_010043	ARHGDI1A	chr17:79825596-79829282	-0.0360831	0.999791
XLOC_014226	XLOC_014226	YBEY	chr21:47706266-47717665	-0.0360762	0.999791
XLOC_006294	XLOC_006294	DCAF11	chr14:24583905-24594451	-0.0360631	0.999791
XLOC_005123	XLOC_005123	MAP1LC3B2	chr12:116997185-117014425	-0.0360469	0.999791
XLOC_021060	XLOC_021060	FIGLN1	chr7:50511831-50518088	-0.0360163	0.999791
XLOC_011243	XLOC_011243	ZNF8	chr19:58790317-58807254	-0.0359948	0.999791
XLOC_007822	XLOC_007822	RAB11FIP3	chr16:475667-572481	-0.0359903	0.999791
XLOC_013237	XLOC_013237	GPR155	chr2:175296299-175351816	-0.0359892	1
XLOC_013919	XLOC_013919	PDRG1	chr20:30532757-30539883	-0.0358917	0.999791
XLOC_000531	XLOC_000531	SLC35A3	chr1:100435344-100492534	-0.0358823	0.999791
XLOC_016864	XLOC_016864	H2AFZ	chr4:100869243-100871512	-0.0358596	0.999791
XLOC_021602	XLOC_021602	SDCBP	chr8:59465727-59495419	-0.035859	0.999791
XLOC_022653	XLOC_022653	PPP1R26	chr9:138371647-138380739	-0.0358495	0.999791
XLOC_008817	XLOC_008817	TMEM102	chr17:7338761-7340998	-0.0357834	0.999791
XLOC_011665	XLOC_011665	RPS16	chr19:39923846-39926618	-0.0357765	0.999791
XLOC_020355	XLOC_020355	FSCN1	chr7:5632435-5646287	-0.0357701	0.999791

XLOC_000699	XLOC_000699	OAZ3	chr1:151732122-151743806	-0.0357533	0.999791
XLOC_018041	XLOC_018041	SNRNP48	chr6:7590431-7612200	-0.0357265	0.999791
XLOC_012501	XLOC_012501	KLHL23,PHOSPHO2,PHOSPHO2	chr2:170550963-170608396	-0.0356914	0.999791
XLOC_007260	XLOC_007260	MAP2K1	chr15:66679210-66790146	-0.0356887	0.999791
XLOC_013561	XLOC_013561	NXT1	chr20:23331372-23335408	-0.0356739	0.999791
XLOC_001737	XLOC_001737	NHLH2	chr1:116378998-116383747	-0.0356051	0.999791
XLOC_016365	XLOC_016365	MOB1B	chr4:71768056-71853891	-0.0355581	0.999791
XLOC_008174	XLOC_008174	SLC9A5	chr16:67282854-67306094	-0.0355192	0.999791
XLOC_001288	XLOC_001288	TMEM51-AS1	chr1:14925212-15478960	-0.0355057	1
XLOC_011271	XLOC_011271	POLR2E	chr19:1065921-1095391	-0.0354838	0.999791
XLOC_002198	XLOC_002198	TAF1A	chr1:222731243-222763275	-0.0354802	0.999791
XLOC_006278	XLOC_006278	LRP10	chr14:23340959-23347291	-0.0354775	0.999791
XLOC_022654	XLOC_022654	MRPS2	chr9:138392476-138396519	-0.0354451	0.999791
XLOC_016138	XLOC_016138	SDHAP1	chr3:195686791-195717150	-0.0353665	0.999791
XLOC_003186	XLOC_003186	DHX32	chr10:127512103-127569884	-0.0353424	0.999791
XLOC_014929	XLOC_014929	THUMPD3	chr3:9404716-9428475	-0.035296	0.999791
XLOC_014436	XLOC_014436	HIC2	chr22:21771692-21805700	-0.0352612	0.999791
XLOC_011575	XLOC_011575	ZNF675	chr19:23835707-23870017	-0.0352534	0.999791
XLOC_017383	XLOC_017383	PCDHB14	chr5:140603077-140605860	-0.035246	0.999791
XLOC_010512	XLOC_010512	SAFB	chr19:5623045-5668489	-0.0351788	0.999791
XLOC_004871	XLOC_004871	SP1	chr12:53773978-53810226	-0.035123	0.999791
XLOC_014231	XLOC_014231	TEKT4P2	chr21:9907188-9968593	-0.0350906	0.999791
XLOC_020860	XLOC_020860	NOS3	chr7:150688143-150721586	-0.0350655	0.999791
XLOC_021209	XLOC_021209	GATS	chr7:99775537-99869855	-0.0350323	0.999791
XLOC_000408	XLOC_000408	MRPL37	chr1:54665839-54684056	-0.0350152	0.999791
XLOC_013011	XLOC_013011	TGOLN2	chr2:85545140-85555419	-0.03501	0.999791
XLOC_003232	XLOC_003232	RPLP2	chr11:809935-812876	-0.0349951	0.999791
XLOC_000828	XLOC_000828	SDHC	chr1:161284165-161337673	-0.0349478	0.999791
XLOC_018142	XLOC_018142	ZSCAN26	chr6:28234787-28245980	-0.0349267	0.999791
XLOC_022315	XLOC_022315	NFX1	chr9:33290417-33371155	-0.0349211	0.999791
XLOC_007244	XLOC_007244	APH1B	chr15:63569748-63601325	-0.0348681	0.999791
XLOC_010134	XLOC_010134	RNMT	chr18:13726703-13764554	-0.0348418	0.999791
XLOC_008422	XLOC_008422	LITAF	chr16:11641577-11681322	-0.0347823	0.999791
XLOC_009421	XLOC_009421	SLC25A11	chr17:4840425-4843462	-0.0347632	0.999791
XLOC_010443	XLOC_010443	ABCA7	chr19:1040101-1065570	-0.0347501	0.999791
XLOC_010809	XLOC_010809	TBCB	chr19:36602104-36616849	-0.0347195	0.999791
XLOC_009553	XLOC_009553	AKAP10	chr17:19807764-19881169	-0.0346974	0.999791
XLOC_017269	XLOC_017269	YTHDC2	chr5:112849390-112930984	-0.034684	0.999791
XLOC_009891	XLOC_009891	APPBP2	chr17:58520519-58603580	-0.0346255	0.999791
XLOC_011691	XLOC_011691	EXOSC5	chr19:41892275-41903256	-0.0346237	0.999791
XLOC_005350	XLOC_005350	C2CD5	chr12:22601517-22697452	-0.0346216	0.999791
XLOC_001049	XLOC_001049	CENPF	chr1:214776531-214837914	-0.0346199	0.999791
XLOC_014438	XLOC_014438	UBE2L3	chr22:21899957-21978323	-0.0346038	0.999791
XLOC_000690	XLOC_000690	PIP5K1A	chr1:151171020-151222007	-0.0345913	0.999791
XLOC_000068	XLOC_000068	SPSB1	chr1:9352940-9429590	-0.0345701	0.999791
XLOC_022839	XLOC_022839	SLC25A51	chr9:37877571-37904350	-0.034521	0.999791
XLOC_009456	XLOC_009456	CTDNBP1	chr17:7146905-7155259	-0.034486	0.999791
XLOC_012503	XLOC_012503	UBR3	chr2:170684017-170940639	-0.0344807	0.999791
XLOC_005438	XLOC_005438	FMNL3	chr12:50017196-50101197	-0.0344667	0.999791
XLOC_004875	XLOC_004875	TARBP2	chr12:53894704-53900215	-0.0344541	0.999791
XLOC_011340	XLOC_011340	C19orf70	chr19:5678432-5688534	-0.0344386	0.999791
XLOC_007372	XLOC_007372	DNM1P41	chr15:85045805-85060078	-0.034378	1
XLOC_020709	XLOC_020709	CAPZA2	chr7:116502562-116559313	-0.0343571	0.999791
XLOC_018332	XLOC_018332	SLC25A27	chr6:46620651-46645927	-0.0343355	0.999791
XLOC_013642	XLOC_013642	CTNBNL1	chr20:36322433-36500520	-0.0342373	0.999791
XLOC_014205	XLOC_014205	PFKL	chr21:45719924-45747261	-0.0342233	0.999791
XLOC_018265	XLOC_018265	BRPF3	chr6:36164549-36200567	-0.0341956	0.999791
XLOC_010799	XLOC_010799	LIN37	chr19:36239261-36245420	-0.0341856	0.999791
XLOC_000456	XLOC_000456	ZRANB2-AS1	chr1:71318035-71546972	-0.034178	1
XLOC_020396	XLOC_020396	MALSU1	chr7:23338939-23349180	-0.0341735	0.999791
XLOC_000351	XLOC_000351	RPS8	chr1:45241245-45244412	-0.0341721	0.999791
XLOC_009315	XLOC_009315	AFMID	chr17:76183397-76203782	-0.0341381	0.999791
XLOC_008598	XLOC_008598	CNOT1	chr16:58549382-58663790	-0.0341286	0.999791
XLOC_000202	XLOC_000202	CEP85	chr1:26560692-26605299	-0.0341276	0.999791
XLOC_006733	XLOC_006733	TM9SF1	chr14:24658352-24664882	-0.0341048	0.999791
XLOC_012541	XLOC_012541	UBE2E3	chr2:181845111-181928150	-0.0341004	0.999791
XLOC_021948	XLOC_021948	PPP2CB	chr8:30643125-30670352	-0.0340592	0.999791
XLOC_021435	XLOC_021435	MCPH1	chr8:6264112-6501140	-0.0340322	0.999791
XLOC_016845	XLOC_016845	FAM13A	chr4:89630939-89978346	-0.0340183	0.999791
XLOC_023972	XLOC_023972	TSPAN6	chrX:99883794-99891794	-0.034012	0.999791
XLOC_014681	XLOC_014681	C22orf29,GNB1L	chr22:19775933-19842462	-0.0340087	0.999791
XLOC_013293	XLOC_013293	PGAP1	chr2:197697727-197791454	-0.033991	0.999791
XLOC_022269	XLOC_022269	CDC37L1	chr9:4679565-4706594	-0.0339509	0.999791
XLOC_018849	XLOC_018849	BTBD9	chr6:38136226-38607924	-0.0339468	0.999791
XLOC_015111	XLOC_015111	RBM5	chr3:50126340-50156397	-0.0339361	0.999791
XLOC_020647	XLOC_020647	PILRB	chr7:99905324-99965454	-0.0339347	0.999791
XLOC_017254	XLOC_017254	FER	chr5:108083522-108523373	-0.0339275	0.999791
XLOC_021329	XLOC_021329	WDR91	chr7:134868589-134896316	-0.0338688	0.999791
XLOC_007172	XLOC_007172	TMEM62	chr15:43425721-43477341	-0.0338333	0.999791

XLOC_010273	XLOC_010273	LPIN2	chr18:2916991-3011945	-0.0337725	0.999791
XLOC_022593	XLOC_022593	PKN3	chr9:131464801-131486408	-0.0337706	0.999791
XLOC_023124	XLOC_023124	SETX	chr9:135136826-135230372	-0.0337675	0.999791
XLOC_013247	XLOC_013247	HOXD-AS1	chr2:177037923-177055635	-0.0337221	0.999791
XLOC_010145	XLOC_010145	RBBP8	chr18:20513294-20606449	-0.0336813	0.999791
XLOC_015406	XLOC_015406	MBNL1	chr3:151980404-152183569	-0.0335805	0.999791
XLOC_007599	XLOC_007599	RFX7	chr15:56382730-56535483	-0.0335218	0.999791
XLOC_007756	XLOC_007756	NMB	chr15:85198359-85201802	-0.0335057	0.999791
XLOC_002499	XLOC_002499	COL13A1	chr10:71561643-71718904	-0.0334404	0.999791
XLOC_011225	XLOC_011225	ZNF419	chr19:57999078-58006048	-0.0334306	0.999791
XLOC_011546	XLOC_011546	MEF2B,MEF2BNB,MEF2BNB-ME	chr19:19256375-19314238	-0.0334086	0.999791
XLOC_021937	XLOC_021937	INTS9	chr8:28625174-28747698	-0.0334012	0.999791
XLOC_002015	XLOC_002015	SCYL3	chr1:169764549-169863100	-0.0333229	0.999791
XLOC_009137	XLOC_009137	TBKBP1	chr17:45772629-45789429	-0.0332974	0.999791
XLOC_020716	XLOC_020716	ING3	chr7:120590816-120615711	-0.0332939	0.999791
XLOC_000970	XLOC_000970	SHISA4	chr1:201857796-201861715	-0.0332486	0.999791
XLOC_003255	XLOC_003255	CD81	chr11:2398546-2418649	-0.0332343	0.999791
XLOC_012791	XLOC_012791	ROCK2	chr2:11321777-11484711	-0.0332345	0.999791
XLOC_016715	XLOC_016715	PDS5A	chr4:39824482-39979576	-0.0332341	0.999791
XLOC_001501	XLOC_001501	MED8	chr1:43849578-43855483	-0.0332281	0.999791
XLOC_003778	XLOC_003778	CEP57	chr11:95523624-95568587	-0.0332228	0.999791
XLOC_014305	XLOC_014305	DNAJC28	chr21:34860237-34864023	-0.033215	1
XLOC_001424	XLOC_001424	BSDC1	chr1:32830704-32860062	-0.033209	0.999791
XLOC_004810	XLOC_004810	ARID2	chr12:46123619-46301819	-0.0331763	0.999791
XLOC_010879	XLOC_010879	CCDC97	chr19:41816093-41830788	-0.0331656	0.999791
XLOC_013288	XLOC_013288	STK17B	chr2:196998306-197036336	-0.033161	0.999791
XLOC_023707	XLOC_023707	RPL10	chrX:153626570-153650063	-0.0331158	0.999791
XLOC_008167	XLOC_008167	CBFB	chr16:67063049-67134958	-0.0330992	0.999791
XLOC_012827	XLOC_012827	ASXL2	chr2:25962252-26101312	-0.0330652	0.999791
XLOC_000176	XLOC_000176	RPL11	chr1:24018268-24022915	-0.0330565	0.999791
XLOC_005082	XLOC_005082	FICD	chr12:108909050-108913380	-0.0330427	0.999791
XLOC_018228	XLOC_018228	LOC100507463	chr6:32808493-32821748	-0.0330421	0.999791
XLOC_009418	XLOC_009418	CXCL16	chr17:4634722-4643223	-0.0330309	0.999791
XLOC_013980	XLOC_013980	ADA	chr20:43248162-43280376	-0.0330247	0.999791
XLOC_014705	XLOC_014705	TOP3B	chr22:22311402-22337147	-0.0330018	0.999791
XLOC_014341	XLOC_014341	PRDM15	chr21:143218384-143299591	-0.0329157	0.999791
XLOC_005697	XLOC_005697	VPS29	chr12:110929329-110939916	-0.032877	0.999791
XLOC_010974	XLOC_010974	GLTSCR2	chr19:48248792-48260323	-0.0328661	0.999791
XLOC_009739	XLOC_009739	KAT2A	chr17:40265128-40273382	-0.0328647	0.999791
XLOC_016023	XLOC_016023	SLC33A1	chr3:155544300-155572248	-0.0328431	0.999791
XLOC_023046	XLOC_023046	RAB14	chr9:123940414-123964365	-0.0327941	0.999791
XLOC_006264	XLOC_006264	METTL17	chr14:21457964-21465194	-0.0327789	0.999791
XLOC_009819	XLOC_009819	H0XB6	chr17:46667822-46683774	-0.0327125	0.999791
XLOC_008473	XLOC_008473	GGA2	chr16:23474862-23521815	-0.0326813	0.999791
XLOC_018675	XLOC_018675	HIST1H4B	chr6:26027123-26027480	-0.0326496	0.999791
XLOC_008659	XLOC_008659	ZNF23	chr16:71481502-71496117	-0.0326224	0.999791
XLOC_018990	XLOC_018990	RNGTT	chr6:89319988-89673348	-0.0325776	0.999791
XLOC_018546	XLOC_018546	UST	chr6:149068270-149398126	-0.0325378	0.999791
XLOC_013149	XLOC_013149	CCDC115	chr2:131095815-131099922	-0.0325245	0.999791
XLOC_024037	XLOC_024037	RPL39	chrX:118920468-118925606	-0.0325101	0.999791
XLOC_018462	XLOC_018462	RWDD1	chr6:116892582-116914436	-0.0325032	0.999791
XLOC_001426	XLOC_001426	SYNC	chr1:33116748-33168361	-0.0324467	0.999791
XLOC_006712	XLOC_006712	C14orf93	chr14:23456109-23479360	-0.0324166	0.999791
XLOC_012395	XLOC_012395	WASH2P	chr2:114341229-114361294	-0.0324016	0.999791
XLOC_003867	XLOC_003867	LOC100499227	chr11:119252487-119369944	-0.0323555	0.999791
XLOC_010725	XLOC_010725	ZNF714	chr19:21264952-21307883	-0.0323521	0.999791
XLOC_006094	XLOC_006094	MTRF1	chr13:41790515-41837713	-0.0323519	0.999791
XLOC_016179	XLOC_016179	RNF4	chr4:2470794-2517586	-0.0323389	0.999791
XLOC_022100	XLOC_022100	TP53INP1	chr8:95938199-95961615	-0.0322898	0.999791
XLOC_005899	XLOC_005899	DLEU1	chr13:50556687-50699677	-0.0322851	0.999791
XLOC_022944	XLOC_022944	FAM120AOS	chr9:96208781-96328397	-0.0322782	0.999791
XLOC_017170	XLOC_017170	SERF1A	chr5:69321071-69338940	-0.0322574	1
XLOC_019204	XLOC_019204	PSMB1	chr6:170844203-170862417	-0.0322406	0.999791
XLOC_019203	XLOC_019203	DLL1	chr6:170591293-170599697	-0.0322379	0.999791
XLOC_007898	XLOC_007898	LINC00514	chr16:3039054-3044510	-0.0322285	1
XLOC_012983	XLOC_012983	TPRKB	chr2:73956956-73964517	-0.0322238	0.999791
XLOC_014092	XLOC_014092	RGS19	chr20:62704534-62711324	-0.032135	0.999791
XLOC_014935	XLOC_014935	ARPC4,ARPC4-TLL3,TLL3	chr3:9821653-9878040	-0.0320631	0.999791
XLOC_022047	XLOC_022047	TCEB1	chr8:74857372-74884522	-0.0320631	0.999791
XLOC_007167	XLOC_007167	GANC	chr15:42566365-42645864	-0.0320512	0.999791
XLOC_001121	XLOC_001121	LGALS8	chr1:236681513-236767841	-0.0320361	0.999791
XLOC_002903	XLOC_002903	MARCB8	chr10:45952816-46090354	-0.0320317	0.999791
XLOC_011327	XLOC_011327	UBXN6	chr19:4445002-4457791	-0.0320036	0.999791
XLOC_006970	XLOC_006970	CCDC85C	chr14:99947738-100070727	-0.0319494	0.999791
XLOC_014942	XLOC_014942	BRK1	chr3:10157332-10168874	-0.0319142	0.999791
XLOC_009309	XLOC_009309	SEPT9	chr17:75277491-75496678	-0.0318954	0.999791
XLOC_017548	XLOC_017548	ZDHHC11	chr5:795719-851101	-0.0318858	0.999791
XLOC_009345	XLOC_009345	NPB	chr17:79860071-79869340	-0.0318056	0.999791
XLOC_010173	XLOC_010173	ZNF271	chr18:32870235-32890730	-0.0317706	0.999791

XLOC_009271	XLOC_009271	TMEM104	chr17:72772621-72835922	-0.0317438	0.999791
XLOC_016472	XLOC_016472	LARP7	chr4:113460488-113578748	-0.0317035	0.999791
XLOC_021239	XLOC_021239	NAPEPLD	chr7:102715327-102789569	-0.0316745	0.999791
XLOC_018522	XLOC_018522	FLJ46906	chr6:139012804-139018425	-0.0316596	0.999791
XLOC_023377	XLOC_023377	PQBP1	chrX:48750729-48760422	-0.0316298	0.999791
XLOC_023900	XLOC_023900	SPIN4	chrX:62567106-62571218	-0.0316265	0.999791
XLOC_022252	XLOC_022252	RPL8	chr8:146015153-146017805	-0.0316256	0.999791
XLOC_020511	XLOC_020511	ZNF138	chr7:64254765-64314178	-0.0316255	0.999791
XLOC_005076	XLOC_005076	RIC8B	chr12:106751435-107283094	-0.0316243	0.999791
XLOC_007848	XLOC_007848	UBE2I	chr16:1359153-1377019	-0.0316093	0.999791
XLOC_017743	XLOC_017743	MCTP1	chr5:94042288-94620279	-0.0315916	0.999791
XLOC_011461	XLOC_011461	PRDX2	chr19:12907633-12912694	-0.0315392	0.999791
XLOC_005525	XLOC_005525	TIMELESS	chr12:56810156-56843200	-0.0315305	0.999791
XLOC_003569	XLOC_003569	SLC3A2	chr11:62623483-62656355	-0.0315232	0.999791
XLOC_009878	XLOC_009878	SKA2	chr17:57187307-57232800	-0.0315138	0.999791
XLOC_008445	XLOC_008445	SMG1	chr16:18816174-18937726	-0.0314783	0.999791
XLOC_012595	XLOC_012595	BMPR2	chr2:203241049-203432474	-0.0314767	0.999791
XLOC_008370	XLOC_008370	TCEB2	chr16:2821414-2827297	-0.0314565	0.999791
XLOC_004877	XLOC_004877	HOXC13	chr12:54329111-54340328	-0.0314493	1
XLOC_005117	XLOC_005117	C12orf52	chr12:113623554-113630119	-0.0314205	0.999791
XLOC_017084	XLOC_017084	LOC100130744	chr5:14704908-14871887	-0.031366	0.999791
XLOC_007277	XLOC_007277	RPLP1	chr15:69745158-69747884	-0.0313657	0.999791
XLOC_003365	XLOC_003365	HTATIP2	chr11:20385230-20405329	-0.0313036	0.999791
XLOC_023981	XLOC_023981	ARMCX6	chrX:100870107-100872991	-0.0312855	0.999791
XLOC_022169	XLOC_022169	KIAA0196	chr8:126036502-126104061	-0.0312849	0.999791
XLOC_022497	XLOC_022497	ZNF462	chr9:109625377-109848716	-0.0310843	0.999791
XLOC_018373	XLOC_018373	C6orf57	chr6:71276624-71298606	-0.0310707	0.999791
XLOC_022995	XLOC_022995	IKBKAP	chr9:111629799-111696608	-0.0310663	0.999791
XLOC_012108	XLOC_012108	GPN1	chr2:27848505-27917847	-0.0310569	0.999791
XLOC_023521	XLOC_023521	ARMCX3	chrX:100878119-100882831	-0.031002	0.999791
XLOC_022236	XLOC_022236	DGAT1	chr8:145515269-145550567	-0.0309945	0.999791
XLOC_011796	XLOC_011796	NAPA	chr19:47987538-48018515	-0.0309647	0.999791
XLOC_001862	XLOC_001862	DENND4B	chr1:153901976-153919154	-0.0309599	0.999791
XLOC_020922	XLOC_020922	EIF2AK1	chr7:6048881-6098860	-0.0309301	0.999791
XLOC_016062	XLOC_016062	TNIK	chr3:170780291-171178197	-0.0308954	0.999791
XLOC_004916	XLOC_004916	RAB5B	chr12:56367696-56390467	-0.0308942	0.999791
XLOC_016748	XLOC_016748	CLOCK	chr4:56294067-56413076	-0.0308655	0.999791
XLOC_010017	XLOC_010017	EIF4A3	chr17:78109012-78120982	-0.0308215	0.999791
XLOC_022567	XLOC_022567	RALGPS1	chr9:129677052-129985445	-0.0307938	0.999791
XLOC_006369	XLOC_006369	C14orf101	chr14:57046510-57116232	-0.0307592	0.999791
XLOC_015858	XLOC_015858	KIAA1524	chr3:108268717-108413693	-0.0307505	0.999791
XLOC_001303	XLOC_001303	CROCCP2	chr1:16944750-16957401	-0.0307403	0.999791
XLOC_004397	XLOC_004397	FCHSD2	chr11:72547789-72853143	-0.0306944	0.999791
XLOC_007417	XLOC_007417	LOC100507217	chr15:93426072-93441977	-0.030619	0.999791
XLOC_015664	XLOC_015664	FYCO1	chr3:45959390-46037316	-0.0306175	0.999791
XLOC_002114	XLOC_002114	UBE2T	chr1:202300784-202311094	-0.030601	0.999791
XLOC_009604	XLOC_009604	COPRS	chr17:30178883-30186326	-0.0305721	0.999791
XLOC_009670	XLOC_009670	MED24	chr17:38175349-38210889	-0.0305694	0.999791
XLOC_018257	XLOC_018257	FANCE	chr6:35420137-35434881	-0.0305488	0.999791
XLOC_010500	XLOC_010500	CHAF1A	chr19:4402659-4443394	-0.0305314	0.999791
XLOC_020444	XLOC_020444	ANLN	chr7:36363758-36493400	-0.0305283	0.999791
XLOC_009305	XLOC_009305	MFS11	chr17:74730196-74775336	-0.0305208	0.999791
XLOC_010489	XLOC_010489	MRPL54	chr19:3762664-3767563	-0.0303212	0.999791
XLOC_015267	XLOC_015267	QTRTD1	chr3:113775581-113807268	-0.0303171	0.999791
XLOC_008889	XLOC_008889	LRRRC48	chr17:17876126-17920189	-0.0302232	1
XLOC_015020	XLOC_015020	OXS1	chr3:38207025-38296979	-0.0302091	0.999791
XLOC_002983	XLOC_002983	PSAP	chr10:73576054-73611082	-0.0301791	0.999791
XLOC_016248	XLOC_016248	FAM200B	chr4:15683351-15692070	-0.0301331	0.999791
XLOC_000164	XLOC_000164	CDC42	chr1:22379119-22419436	-0.030112	0.999791
XLOC_005274	XLOC_005274	M6PR	chr12:9067315-9102357	-0.0300881	0.999791
XLOC_005443	XLOC_005443	RACGAP1	chr12:50382944-50419307	-0.0300664	0.999791
XLOC_001425	XLOC_001425	ZBTB80S	chr1:33087306-33116185	-0.0300564	0.999791
XLOC_012670	XLOC_012670	SLC4A3	chr2:220492291-220506702	-0.0300479	0.999791
XLOC_010686	XLOC_010686	RPL18A	chr19:17970686-17974133	-0.0300115	0.999791
XLOC_003934	XLOC_003934	SIRT3	chr11:208529-236362	-0.0299465	0.999791
XLOC_013279	XLOC_013279	ORMDL1	chr2:190634992-190742355	-0.0299378	0.999791
XLOC_009958	XLOC_009958	FDXR	chr17:72858613-72869156	-0.0299347	0.999791
XLOC_009626	XLOC_009626	CCL5	chr17:34198495-34207377	-0.029879	0.999791
XLOC_003710	XLOC_003710	PPME1	chr11:73882107-73965748	-0.0298106	0.999791
XLOC_010163	XLOC_010163	DSG2	chr18:29078026-29136874	-0.0297982	0.999791
XLOC_006090	XLOC_006090	SUGT1P3,TPT2P5	chr13:41363546-41495910	-0.0297849	1
XLOC_004395	XLOC_004395	ARAP1	chr11:72396113-72463434	-0.0297593	0.999791
XLOC_002858	XLOC_002858	YME1L1	chr10:27399039-27443349	-0.0297377	0.999791
XLOC_005039	XLOC_005039	NEDD1	chr12:97301000-97347469	-0.0296859	0.999791
XLOC_011959	XLOC_011959	DNAAF3	chr19:55670028-55678090	-0.0296459	0.999791
XLOC_008517	XLOC_008517	DCTPP1	chr16:30435018-30441373	-0.0295941	0.999791
XLOC_016311	XLOC_016311	DANCR	chr4:53578620-53580305	-0.0295571	0.999791
XLOC_005626	XLOC_005626	EEA1	chr12:93166284-93323107	-0.0295234	0.999791
XLOC_001407	XLOC_001407	PUM1	chr1:31404352-31538564	-0.0294882	0.999791

XLOC_009320	XLOC_009320	ENGASE	chr17:77071018-77084685	-0.029478	0.999791
XLOC_015460	XLOC_015460	USP13	chr3:179370932-179507189	-0.0294731	0.999791
XLOC_023014	XLOC_023014	INIP	chr9:115448790-115480387	-0.0294577	0.999791
XLOC_014003	XLOC_014003	PLTP	chr20:44517110-44541003	-0.0294186	0.999791
XLOC_000239	XLOC_000239	EPB41	chr1:29213602-29450421	-0.0294079	0.999791
XLOC_011323	XLOC_011323	SIRT6	chr19:4174105-4182596	-0.0294058	0.999791
XLOC_012076	XLOC_012076	NCOA1	chr2:24807345-24993570	-0.0293748	0.999791
XLOC_009050	XLOC_009050	TMEM99	chr17:38974368-38992526	-0.02937	0.999791
XLOC_004952	XLOC_004952	TSPAN31	chr12:58138783-58146230	-0.0293647	0.999791
XLOC_018521	XLOC_018521	HEBP2	chr6:138725335-138734582	-0.0292911	0.999791
XLOC_013542	XLOC_013542	ZNF133	chr20:18269120-18297640	-0.0292908	0.999791
XLOC_008343	XLOC_008343	HAGH	chr16:1859103-1877195	-0.0292763	0.999791
XLOC_009596	XLOC_009596	BLMH	chr17:28575212-28619184	-0.0292521	0.999791
XLOC_000842	XLOC_000842	UHMK1	chr1:162466963-162499419	-0.0292445	0.999791
XLOC_006325	XLOC_006325	BRMS1L	chr14:36295596-36341169	-0.0292129	0.999791
XLOC_009149	XLOC_009149	UBE2Z	chr17:46985730-47006422	-0.0291909	0.999791
XLOC_004332	XLOC_004332	FIBP	chr11:65647283-65656010	-0.0291672	0.999791
XLOC_017725	XLOC_017725	TMEM167A	chr5:82348664-82373272	-0.0291419	0.999791
XLOC_002650	XLOC_002650	SFXN3	chr10:102790995-102800998	-0.0291392	0.999791
XLOC_004091	XLOC_004091	RPS13	chr11:17095938-17099220	-0.0290963	0.999791
XLOC_008046	XLOC_008046	PPP4C	chr16:30087383-30096695	-0.0290831	0.999791
XLOC_022640	XLOC_022640	ADAMTS13	chr9:136243283-136324508	-0.0290608	0.999791
XLOC_001451	XLOC_001451	MRPS15	chr1:36921361-36930040	-0.0290557	0.999791
XLOC_014022	XLOC_014022	SPATA2	chr20:48519928-48532080	-0.0290277	0.999791
XLOC_013430	XLOC_013430	HJURP	chr2:234745485-234763212	-0.0289745	0.999791
XLOC_017960	XLOC_017960	THOC3	chr5:175386533-175395545	-0.0288679	0.999791
XLOC_012930	XLOC_012930	USP34	chr2:61404554-61697849	-0.0288593	0.999791
XLOC_001622	XLOC_001622	GN5	chr1:84944919-84972262	-0.028856	0.999791
XLOC_010791	XLOC_010791	HAUS5	chr19:36103645-36116251	-0.0288556	0.999791
XLOC_007521	XLOC_007521	OIP5	chr15:41601465-41624819	-0.0288364	0.999791
XLOC_016989	XLOC_016989	TMEM192	chr4:165997229-166034024	-0.0288075	0.999791
XLOC_018449	XLOC_018449	KIAA1919	chr6:111580481-111590261	-0.0288006	0.999791
XLOC_000579	XLOC_000579	KCNC4	chr1:110753335-110776674	-0.0287486	0.999791
XLOC_017164	XLOC_017164	MRPS36	chr5:68513572-68525985	-0.0286874	0.999791
XLOC_001488	XLOC_001488	SCMH1	chr1:41480261-41707815	-0.0286714	0.999791
XLOC_017148	XLOC_017148	KIF2A	chr5:61601988-61683011	-0.0286525	0.999791
XLOC_016567	XLOC_016567	KLHL2	chr4:166128769-166244308	-0.0286441	0.999791
XLOC_013176	XLOC_013176	MMADHC	chr2:150426146-150444330	-0.0285436	0.999791
XLOC_016937	XLOC_016937	SETD7	chr4:140427191-140477577	-0.0284843	0.999791
XLOC_018934	XLOC_018934	GCLC	chr6:53362139-53409927	-0.0284622	0.999791
XLOC_008192	XLOC_008192	SLC7A6	chr16:68298418-68344868	-0.0284067	0.999791
XLOC_014630	XLOC_014630	TRMU	chr22:46731297-46753237	-0.028406	0.999791
XLOC_002074	XLOC_002074	EDEM3	chr1:184659624-184724041	-0.0282958	0.999791
XLOC_013156	XLOC_013156	MZT2A	chr2:132202795-132360468	-0.0282726	0.999791
XLOC_002590	XLOC_002590	HECTD2	chr10:93066718-93371217	-0.0282704	0.999791
XLOC_001652	XLOC_001652	GLMN	chr1:92711954-92853732	-0.0282541	0.999791
XLOC_003549	XLOC_003549	MYRF	chr1:161520120-161555989	-0.0282205	0.999791
XLOC_012376	XLOC_012376	TMEM87B	chr2:112812799-112876895	-0.0281587	0.999791
XLOC_011027	XLOC_011027	RPS11	chr19:4999621-50002969	-0.0281478	0.999791
XLOC_022498	XLOC_022498	RAD23B	chr9:110045516-110094475	-0.0281425	0.999791
XLOC_013294	XLOC_013294	ANKRD44	chr2:197851385-198175521	-0.0281378	0.999791
XLOC_013123	XLOC_013123	C2orf76	chr2:120060019-120124258	-0.0281283	0.999791
XLOC_023156	XLOC_023156	CAMSAP1	chr9:138700332-138799005	-0.0280999	0.999791
XLOC_000991	XLOC_000991	ZC3H11A	chr1:203764750-203823256	-0.0280922	0.999791
XLOC_003588	XLOC_003588	GPR137	chr1:64037299-64056972	-0.0280469	0.999791
XLOC_006643	XLOC_006643	MARK3	chr14:103851700-103970166	-0.0280008	0.999791
XLOC_001812	XLOC_001812	TMOD4	chr1:151129104-151148547	-0.0279724	1
XLOC_016202	XLOC_016202	MRFAP1	chr4:6641817-6644470	-0.0278958	0.999791
XLOC_016761	XLOC_016761	UBA6	chr4:68481478-68566889	-0.0278085	0.999791
XLOC_014053	XLOC_014053	CTS3	chr20:57570241-57582309	-0.0277719	0.999791
XLOC_003030	XLOC_003030	LOC728190	chr10:88998423-89103331	-0.0277251	0.999791
XLOC_012129	XLOC_012129	BIRC6	chr2:32582095-32843965	-0.0276901	0.999791
XLOC_011925	XLOC_011925	ZNF160	chr19:53569866-53606687	-0.0276587	0.999791
XLOC_023109	XLOC_023109	CRAT	chr9:131857072-131873070	-0.0276469	0.999791
XLOC_021496	XLOC_021496	EPB49	chr8:21911080-21940036	-0.0276312	0.999791
XLOC_001082	XLOC_001082	ZNF678	chr1:227751219-227850164	-0.0276306	0.999791
XLOC_002206	XLOC_002206	WDR26	chr1:224572844-224622001	-0.0275985	0.999791
XLOC_014527	XLOC_014527	HMGXB4	chr22:35653444-35691800	-0.0275975	0.999791
XLOC_009405	XLOC_009405	P2RX5,TAX1BP3	chr17:3539761-3599698	-0.0275687	0.999791
XLOC_023252	XLOC_023252	TBL1X	chrX:9431334-9687780	-0.0275603	0.999791
XLOC_005722	XLOC_005722	C12orf49	chr12:117153595-117175843	-0.0275236	0.999791
XLOC_000370	XLOC_000370	UQCRH	chr1:46769379-46782447	-0.0274821	0.999791
XLOC_015855	XLOC_015855	CD47	chr3:107761940-107809935	-0.0274171	0.999791
XLOC_013337	XLOC_013337	KANSL1L	chr2:210867351-211036051	-0.0273766	0.999791
XLOC_007162	XLOC_007162	TYRO3	chr15:41851219-41871536	-0.0273465	0.999791
XLOC_023853	XLOC_023853	GPKOW	chrX:48969021-48980079	-0.0273145	0.999791
XLOC_018013	XLOC_018013	TRIM7	chr5:180620923-180632177	-0.0272795	0.999791
XLOC_002200	XLOC_002200	TLR5	chr1:223282747-223316624	-0.0272583	1
XLOC_004796	XLOC_004796	KIAA1551	chr12:32112352-32146043	-0.0272182	0.999791

XLOC_018600	XLOC_018600	MLLT4	chr6:168227670-168372700	-0.0271849	0.999791
XLOC_011192	XLOC_011192	ZNF580	chr19:56152391-56154836	-0.0271725	0.999791
XLOC_006061	XLOC_006061	HSPH1	chr13:31710762-31736117	-0.0271156	0.999791
XLOC_010462	XLOC_010462	CSNK1G2	chr19:1941160-1981336	-0.0270959	0.999791
XLOC_023105	XLOC_023105	C9orf114	chr9:131580778-131592100	-0.0270768	0.999791
XLOC_001967	XLOC_001967	TSTD1	chr1:161007421-161008774	-0.0270613	0.999791
XLOC_012366	XLOC_012366	SH3RF3	chr2:109743783-110262207	-0.0270152	0.999791
XLOC_003403	XLOC_003403	TRIM44	chr11:35684352-35830930	-0.0270117	0.999791
XLOC_011752	XLOC_011752	ERCC2	chr19:45843997-45873845	-0.0270095	0.999791
XLOC_002643	XLOC_002643	HIF1AN	chr10:102295640-102313681	-0.0270085	0.999791
XLOC_013689	XLOC_013689	DNMTTIP1	chr20:44420575-44440066	-0.0269932	0.999791
XLOC_010175	XLOC_010175	GALNT1	chr18:33234532-33291798	-0.0269763	0.999791
XLOC_018655	XLOC_018655	NUP153	chr6:17615268-17706818	-0.026971	0.999791
XLOC_000822	XLOC_000822	USP21	chr1:161129253-161135516	-0.0269707	0.999791
XLOC_022216	XLOC_022216	MAFA	chr8:144510229-144512602	-0.0269168	0.999791
XLOC_009087	XLOC_009087	RPL27	chr17:41150445-41154971	-0.0268689	0.999791
XLOC_007265	XLOC_007265	C15orf61	chr15:67493012-67819641	-0.0267704	0.999791
XLOC_015063	XLOC_015063	ZNF501	chr3:44771097-44778575	-0.0267591	0.999791
XLOC_004577	XLOC_004577	PVRL1	chr11:119508807-119599435	-0.0267277	0.999791
XLOC_010035	XLOC_010035	C17orf70	chr17:79506910-79519429	-0.0266873	0.999791
XLOC_003657	XLOC_003657	SSH3	chr11:67070918-67080078	-0.0266792	0.999791
XLOC_011079	XLOC_011079	PPP2R1A	chr19:52693054-52729678	-0.0266767	0.999791
XLOC_012103	XLOC_012103	NRBP1	chr2:27651472-27665124	-0.0266456	0.999791
XLOC_022199	XLOC_022199	SLC45A4	chr8:142220869-142238673	-0.0266227	0.999791
XLOC_006715	XLOC_006715	ACIN1	chr14:23527773-23569665	-0.026622	0.999791
XLOC_014978	XLOC_014978	RAB5A	chr3:19988571-20053765	-0.0266017	0.999791
XLOC_009083	XLOC_009083	AOC3	chr17:41003200-41010140	-0.0265787	0.999791
XLOC_007903	XLOC_007903	MMP25	chr16:3096681-3110724	-0.026575	0.999791
XLOC_007673	XLOC_007673	HEXA	chr15:72635777-72671129	-0.0265032	0.999791
XLOC_005647	XLOC_005647	UHRF1BP1L	chr12:100430862-100536642	-0.0264489	0.999791
XLOC_018973	XLOC_018973	IBTK	chr6:82879955-82957448	-0.0264443	0.999791
XLOC_002471	XLOC_002471	CDK1	chr10:62538088-62554610	-0.0263436	0.999791
XLOC_003604	XLOC_003604	MRPL49	chr1:64888098-64902003	-0.0263279	0.999791
XLOC_023554	XLOC_023554	MID2	chrX:107069083-107174867	-0.0262466	0.999791
XLOC_022491	XLOC_022491	LOC286367	chr9:107536632-107540045	-0.0262126	0.999791
XLOC_013010	XLOC_013010	TRABD2A	chr2:85048795-85108252	-0.0261688	0.999791
XLOC_004513	XLOC_004513	NPAT	chr11:108028118-108093365	-0.0261346	0.999791
XLOC_003900	XLOC_003900	EI24	chr11:125439297-125454575	-0.0261221	0.999791
XLOC_016153	XLOC_016153	BDH1	chr3:197236653-197300194	-0.0261106	0.999791
XLOC_010630	XLOC_010630	NANOS3	chr19:13988062-13991571	-0.0261085	0.999791
XLOC_009537	XLOC_009537	TOP3A	chr17:18177234-18218321	-0.0260972	0.999791
XLOC_009770	XLOC_009770	LSM12	chr17:421122002-42144987	-0.0260908	0.999791
XLOC_001352	XLOC_001352	LOC100506963	chr1:24069855-24104787	-0.026076	0.999791
XLOC_005094	XLOC_005094	ANKRD13A	chr12:110437234-110477235	-0.0260679	0.999791
XLOC_022696	XLOC_022696	MRPL41	chr9:140446308-140447007	-0.0260589	0.999791
XLOC_007247	XLOC_007247	SNX1	chr15:64388082-64436433	-0.0260445	0.999791
XLOC_004800	XLOC_004800	ALG10	chr12:34175215-34181236	-0.0260085	0.999791
XLOC_018784	XLOC_018784	ATF6B	chr6:32083044-32096017	-0.0259681	0.999791
XLOC_004961	XLOC_004961	TMEM5	chr12:64173636-64202887	-0.0259555	0.999791
XLOC_013547	XLOC_013547	LINC00493	chr20:18548072-18550203	-0.0258954	0.999791
XLOC_010706	XLOC_010706	CRTC1	chr19:18794424-18893143	-0.0258424	0.999791
XLOC_022214	XLOC_022214	TOP1MT	chr8:144391496-144442147	-0.0257924	0.999791
XLOC_000860	XLOC_000860	DCAF6	chr1:167885912-168045083	-0.0257328	0.999791
XLOC_000334	XLOC_000334	CDC20	chr1:43824625-43828873	-0.0257166	0.999791
XLOC_004244	XLOC_004244	SLC15A3	chr1:60691912-60719257	-0.0256785	0.999791
XLOC_000222	XLOC_000222	STX12	chr1:28099693-28150963	-0.025678	0.999791
XLOC_022245	XLOC_022245	CYHR1	chr8:145675314-145691031	-0.0256169	0.999791
XLOC_013120	XLOC_013120	CCDC93	chr2:118673053-118771739	-0.0255957	0.999791
XLOC_000593	XLOC_000593	DDX20	chr1:112264685-112310199	-0.0255641	0.999791
XLOC_010503	XLOC_010503	TNFAIP8L1	chr19:4639526-4655580	-0.0254539	0.999791
XLOC_016719	XLOC_016719	APBB2	chr4:40812043-41216635	-0.0254447	0.999791
XLOC_014474	XLOC_014474	KIAA1671	chr22:25423940-25593415	-0.0254216	0.999791
XLOC_007289	XLOC_007289	BBS4	chr15:72978519-73030817	-0.0254028	0.999791
XLOC_018608	XLOC_018608	TBP	chr6:170863420-170881958	-0.025398	0.999791
XLOC_018486	XLOC_018486	HINT3	chr6:126277860-126301389	-0.0253796	0.999791
XLOC_000264	XLOC_000264	S100PBP	chr1:33240839-33324480	-0.0253679	0.999791
XLOC_009119	XLOC_009119	CRHR1-IT1	chr17:43697709-43913194	-0.0253668	0.999791
XLOC_000364	XLOC_000364	NASP	chr1:46049659-46084578	-0.0253412	0.999791
XLOC_014718	XLOC_014718	CHCHD10	chr22:24105207-24110141	-0.0253064	0.999791
XLOC_024046	XLOC_024046	LAMP2	chrX:119560002-119603204	-0.0252869	0.999791
XLOC_017227	XLOC_017227	COX7C	chr5:85913783-85916583	-0.0252481	0.999791
XLOC_013346	XLOC_013346	BARD1	chr2:215593274-215674428	-0.0252142	1
XLOC_011830	XLOC_011830	NTF4	chr19:49564396-49567124	-0.0251839	0.999791
XLOC_018222	XLOC_018222	EGFL8,PPT2	chr6:32120578-32145888	-0.025115	0.999791
XLOC_008049	XLOC_008049	MYLPF	chr16:30386122-30389310	-0.0250991	1
XLOC_001335	XLOC_001335	HP1BP3	chr1:21069170-21113181	-0.0250874	0.999791
XLOC_021938	XLOC_021938	KIF13B	chr8:28924794-29120610	-0.0250807	0.999791
XLOC_013926	XLOC_013926	CDK5RAP1	chr20:31946644-31989337	-0.0250632	0.999791
XLOC_018160	XLOC_018160	HLA-H	chr6:29855382-29858856	-0.0250382	0.999791

XLOC_017343	XLOC_017343	KDM3B	chr5:137688284-137772716	-0.0250358	0.999791
XLOC_006738	XLOC_006738	RABGGTA	chr14:24734743-24740833	-0.0250196	0.999791
XLOC_016957	XLOC_016957	PRMT10	chr4:148559533-148605280	-0.024962	0.999791
XLOC_013226	XLOC_013226	METTL5	chr2:170655321-170681353	-0.024911	0.999791
XLOC_021003	XLOC_021003	KBTBD2	chr7:32907777-32931468	-0.0248939	0.999791
XLOC_016925	XLOC_016925	NUDT6	chr4:123747862-123844159	-0.0248741	0.999791
XLOC_014200	XLOC_014200	AGPAT3	chr21:45285115-45407475	-0.0248667	0.999791
XLOC_010702	XLOC_010702	UBA52	chr19:18682613-18688270	-0.0248365	0.999791
XLOC_018215	XLOC_018215	SKIV2L	chr6:31919863-31937532	-0.0248073	0.999791
XLOC_015581	XLOC_015581	RPL32	chr3:12876443-12883081	-0.0247188	0.999791
XLOC_012871	XLOC_012871	CEBPZ	chr2:37423634-37458740	-0.0246968	0.999791
XLOC_021187	XLOC_021187	SMURF1	chr7:98625057-98741743	-0.0246437	0.999791
XLOC_005501	XLOC_005501	ZNF385A	chr12:54762919-54785083	-0.0245862	0.999791
XLOC_005795	XLOC_005795	CHFR	chr12:133416937-133464204	-0.0245837	1
XLOC_006296	XLOC_006296	PSME1	chr14:24605377-24610797	-0.0244823	0.999791
XLOC_004123	XLOC_004123	LIN7C	chr11:27515964-27528326	-0.0244524	0.999791
XLOC_022355	XLOC_022355	DCAF10	chr9:37800789-37867665	-0.0244492	0.999791
XLOC_008995	XLOC_008995	AP2B1	chr17:33914281-34053436	-0.0244383	0.999791
XLOC_008013	XLOC_008013	IL4R	chr16:27325229-27376099	-0.0244288	0.999791
XLOC_000506	XLOC_000506	KIAA1107	chr1:92632608-92650280	-0.0244269	1
XLOC_004677	XLOC_004677	COPS7A	chr12:6833149-6841041	-0.0244223	0.999791
XLOC_014721	XLOC_014721	GSTT2	chr22:24299600-24303393	-0.0244084	0.999791
XLOC_015139	XLOC_015139	NISCH	chr3:52489523-52527088	-0.0244032	0.999791
XLOC_003575	XLOC_003575	C11orf84	chr11:63580922-63595190	-0.0243676	0.999791
XLOC_015040	XLOC_015040	ZNF621	chr3:40566375-40581043	-0.0243513	0.999791
XLOC_003158	XLOC_003158	CACUL1	chr10:120440493-120514758	-0.0243413	0.999791
XLOC_023881	XLOC_023881	HUWE1	chrX:53559056-53713697	-0.0242524	0.999791
XLOC_012779	XLOC_012779	KIDINS220	chr2:8868986-8977755	-0.0241778	0.999791
XLOC_011430	XLOC_011430	KANK2	chr19:11274942-11308243	-0.0241459	0.999791
XLOC_017358	XLOC_017358	SLC35A4	chr5:139944419-139948683	-0.0241349	0.999791
XLOC_010492	XLOC_010492	PIAS4	chr19:4007748-4038067	-0.0241102	0.999791
XLOC_002250	XLOC_002250	TARBP1	chr1:234527058-234614849	-0.0240938	0.999791
XLOC_006380	XLOC_006380	JKAMP	chr14:59951160-60043549	-0.0240869	0.999791
XLOC_015539	XLOC_015539	MF12-AS1	chr3:196728611-196756687	-0.0240736	0.999791
XLOC_023488	XLOC_023488	COX7B	chrX:77154960-77160881	-0.0240469	0.999791
XLOC_022118	XLOC_022118	FBXO43	chr8:101145587-1011158099	-0.0240334	1
XLOC_009476	XLOC_009476	TMEM107	chr17:8076296-8079714	-0.0240294	0.999791
XLOC_005792	XLOC_005792	POLE	chr12:133200347-133263945	-0.0240036	0.999791
XLOC_011927	XLOC_011927	ZNF347	chr19:53641956-53662322	-0.0240034	1
XLOC_003107	XLOC_003107	MGEA5	chr10:103544199-103578222	-0.0239948	0.999791
XLOC_000135	XLOC_000135	CROCC	chr1:17248444-17299474	-0.0238149	0.999791
XLOC_003672	XLOC_003672	PPP6R3	chr11:68228185-68382801	-0.0238022	0.999791
XLOC_012176	XLOC_012176	MSH6	chr2:48010220-48132932	-0.0237909	0.999791
XLOC_001206	XLOC_001206	SSU72	chr1:1477052-1510262	-0.0237855	0.999791
XLOC_017869	XLOC_017869	GNPDA1	chr5:141380233-141392620	-0.0237583	0.999791
XLOC_020928	XLOC_020928	ZNF12	chr7:6728063-6746566	-0.0237219	0.999791
XLOC_021525	XLOC_021525	PTK2B	chr8:27168998-27316908	-0.0237218	0.999791
XLOC_008726	XLOC_008726	APRT	chr16:88875876-88878342	-0.0237203	0.999791
XLOC_002403	XLOC_002403	CREM	chr10:35415768-35501886	-0.0237124	0.999791
XLOC_011191	XLOC_011191	ZNF865	chr19:56124958-56129907	-0.0236668	0.999791
XLOC_007850	XLOC_007850	GNPTG	chr16:1401899-1464705	-0.0236183	0.999791
XLOC_009144	XLOC_009144	SNX11	chr17:46184919-46200105	-0.0235724	0.999791
XLOC_018482	XLOC_018482	TPD52L1	chr6:125474878-125584644	-0.0235508	0.999791
XLOC_008521	XLOC_008521	ZNF764	chr16:30565084-30569642	-0.0235265	0.999791
XLOC_021947	XLOC_021947	GSR	chr8:30535579-30585486	-0.0235139	0.999791
XLOC_000891	XLOC_000891	DARS2	chr1:173793796-173827682	-0.0234668	0.999791
XLOC_023913	XLOC_023913	PJA1	chrX:68380580-68385365	-0.0234144	0.999791
XLOC_002504	XLOC_002504	SGPL1	chr10:72575703-72640932	-0.0234004	0.999791
XLOC_003236	XLOC_003236	CD151	chr11:832951-838835	-0.0233696	0.999791
XLOC_009565	XLOC_009565	IFT20	chr17:26646120-26662515	-0.0233377	0.999791
XLOC_004418	XLOC_004418	WNT11	chr11:75897369-75917574	-0.0232807	0.999791
XLOC_008594	XLOC_008594	ZNF319	chr16:58028572-58033762	-0.0232411	0.999791
XLOC_012944	XLOC_012944	RAB1A	chr2:65283494-65357435	-0.0232358	0.999791
XLOC_017495	XLOC_017495	SFXN1	chr5:174905513-174955621	-0.023201	0.999791
XLOC_008584	XLOC_008584	NUDT21	chr16:56463047-56485261	-0.0231994	0.999791
XLOC_009065	XLOC_009065	CNP	chr17:40118758-40190044	-0.0231776	0.999791
XLOC_020668	XLOC_020668	ZNHIT1	chr7:100849257-100867471	-0.0231392	0.999791
XLOC_015044	XLOC_015044	SS18L2	chr3:42589458-42690233	-0.0230742	0.999791
XLOC_014873	XLOC_014873	TTLL12	chr22:43562627-43583137	-0.0230705	0.999791
XLOC_023601	XLOC_023601	STAG2	chrX:123094474-123236505	-0.0230677	0.999791
XLOC_001999	XLOC_001999	CREG1	chr1:167510250-167523056	-0.0230351	0.999791
XLOC_003007	XLOC_003007	AP3M1	chr10:75880014-75910826	-0.0230195	0.999791
XLOC_007884	XLOC_007884	ATP6VOC	chr16:2563726-2570224	-0.0229991	0.999791
XLOC_023876	XLOC_023876	FAM156A,FAM156B	chrX:52976463-53024651	-0.0229873	0.999791
XLOC_008778	XLOC_008778	PSMB6	chr17:4699438-4701798	-0.0229228	0.999791
XLOC_002349	XLOC_002349	LOC283070	chr10:12875132-12877545	-0.0229151	0.999791
XLOC_012407	XLOC_012407	TMEM177	chr2:120436742-120439694	-0.0229057	0.999791
XLOC_009528	XLOC_009528	COPS3	chr17:17149937-17184617	-0.0228784	0.999791
XLOC_016031	XLOC_016031	CCNL1	chr3:156865585-156878482	-0.0228694	0.999791

XLOC_001769	XLOC_001769	CD160	chr1:145695797-145715565	-0.0228067	1
XLOC_015900	XLOC_015900	IQCB1	chr3:121488609-121553926	-0.0227947	0.999791
XLOC_012745	XLOC_012745	CAPN10	chr2:241526132-241538526	-0.0227719	0.999791
XLOC_006884	XLOC_006884	HEATR4	chr14:73945188-74025651	-0.0227656	1
XLOC_023565	XLOC_023565	ALG13	chrX:110924345-111003875	-0.0227436	0.999791
XLOC_016458	XLOC_016458	HADH	chr4:108910869-108956331	-0.0227317	0.999791
XLOC_012397	XLOC_012397	ACTR3	chr2:114647536-114716167	-0.0226979	0.999791
XLOC_015619	XLOC_015619	AZI2	chr3:28363843-28390618	-0.0226761	0.999791
XLOC_003671	XLOC_003671	LRP5	chr1:168080107-68216743	-0.022653	0.999791
XLOC_002856	XLOC_002856	LINC00202-1	chr10:27220134-27230930	-0.0226257	1
XLOC_004567	XLOC_004567	RPS25	chr11:118868851-118889057	-0.0226213	0.999791
XLOC_013623	XLOC_013623	PROCR	chr20:33759773-33765165	-0.0226209	0.999791
XLOC_011703	XLOC_011703	DEDD2	chr19:42702744-42724304	-0.022559	0.999791
XLOC_010971	XLOC_010971	NAPA-AS1	chr19:47987538-48018515	-0.0224368	0.999791
XLOC_010551	XLOC_010551	RPS28	chr19:8386383-8387280	-0.0224109	0.999791
XLOC_017899	XLOC_017899	DCTN4	chr5:150088308-150138657	-0.0223765	0.999791
XLOC_006925	XLOC_006925	PTPN21	chr14:88932121-89021123	-0.0223503	0.999791
XLOC_022767	XLOC_022767	TUSC1	chr9:25676386-25678856	-0.0223357	0.999791
XLOC_011637	XLOC_011637	ZNF607	chr19:38187263-38210691	-0.0222899	0.999791
XLOC_006329	XLOC_006329	MIPOL1	chr14:37667117-38020464	-0.0222819	1
XLOC_005395	XLOC_005395	PLEKHA8P1	chr12:45566816-45834187	-0.0222604	0.999791
XLOC_014637	XLOC_014637	ZBED4	chr22:50247496-50283726	-0.0222483	0.999791
XLOC_010627	XLOC_010627	ZSWIM4	chr19:13906273-13943044	-0.0222454	0.999791
XLOC_009543	XLOC_009543	ZNF286B	chr17:18561741-18585572	-0.0222404	0.999791
XLOC_003315	XLOC_003315	EIF3F	chr11:8008866-8017719	-0.0222266	0.999791
XLOC_002563	XLOC_002563	FAM35A	chr10:88854952-88951222	-0.0221808	0.999791
XLOC_001311	XLOC_001311	RCC2	chr11:17733250-17766250	-0.0221453	0.999791
XLOC_020673	XLOC_020673	LOC100289561_PRRKIP1	chr7:102004307-102067129	-0.0221322	0.999791
XLOC_000495	XLOC_000495	PKN2	chr1:89149921-89301938	-0.0220939	0.999791
XLOC_007786	XLOC_007786	FAM174B	chr15:93160678-93199031	-0.0220265	0.999791
XLOC_004925	XLOC_004925	MYL6B	chr12:56546203-56551771	-0.0220235	0.999791
XLOC_018894	XLOC_018894	SLC35B2	chr6:44221837-44225283	-0.0219978	0.999791
XLOC_002133	XLOC_002133	PLEKHA6	chr1:204187978-204329057	-0.0219801	0.999791
XLOC_010673	XLOC_010673	BABAM1	chr19:17378231-17390162	-0.0219736	0.999791
XLOC_009507	XLOC_009507	ZNF18	chr17:11880761-11900689	-0.0219708	0.999791
XLOC_006783	XLOC_006783	FBXO33	chr14:39865576-39901704	-0.02194	0.999791
XLOC_019183	XLOC_019183	SFT2D1	chr6:166733516-166755991	-0.021919	0.999791
XLOC_022022	XLOC_022022	VCPIP1	chr8:67542487-67579452	-0.0219077	0.999791
XLOC_006229	XLOC_006229	GRTP1	chr13:113978504-114018463	-0.0218978	0.999791
XLOC_000372	XLOC_000372	FAAH	chr1:46859938-46879520	-0.021852	0.999791
XLOC_008227	XLOC_008227	DHX38	chr16:72118755-72146811	-0.0218133	0.999791
XLOC_022609	XLOC_022609	GPR107	chr9:132815984-132902448	-0.0218125	0.999791
XLOC_011435	XLOC_011435	RGL3	chr19:11504731-11530018	-0.0217799	0.999791
XLOC_006404	XLOC_006404	FUT8	chr14:65877309-66210839	-0.0217698	0.999791
XLOC_014552	XLOC_014552	EIF3L	chr22:38245378-38284789	-0.0217446	0.999791
XLOC_007716	XLOC_007716	CIB2	chr15:78396947-78423877	-0.0217038	0.999791
XLOC_007624	XLOC_007624	CSNK1G1	chr15:64457715-64648442	-0.0216611	0.999791
XLOC_003655	XLOC_003655	ADRBK1	chr11:67033904-67054029	-0.0216461	0.999791
XLOC_000179	XLOC_000179	LYPLA2	chr1:24117645-24122029	-0.0216301	0.999791
XLOC_016706	XLOC_016706	FLJ13197	chr4:38614321-38703129	-0.0216095	1
XLOC_011418	XLOC_011418	TYK2	chr19:10461203-10491248	-0.0216075	0.999791
XLOC_014060	XLOC_014060	PSMA7	chr20:60711782-60718514	-0.0216069	0.999791
XLOC_021787	XLOC_021787	GRINA	chr8:145064225-145067583	-0.021574	0.999791
XLOC_012676	XLOC_012676	MRPL44	chr2:224822120-224832431	-0.0215678	0.999791
XLOC_001996	XLOC_001996	ILDR2	chr1:166882440-166944561	-0.0215652	0.999791
XLOC_014563	XLOC_014563	APOBEC3C	chr22:39410264-39414825	-0.0215626	0.999791
XLOC_000969	XLOC_000969	IPO9	chr1:201798287-201853422	-0.0215499	0.999791
XLOC_008826	XLOC_008826	CD68	chr17:7482804-7485429	-0.0215413	0.999791
XLOC_006138	XLOC_006138	ATP7B	chr13:52506805-52585630	-0.0215369	0.999791
XLOC_022431	XLOC_022431	SYK	chr9:93564011-93660842	-0.0214961	0.999791
XLOC_014079	XLOC_014079	PTK6	chr20:62159775-62168723	-0.0214838	0.999791
XLOC_001956	XLOC_001956	DCAF8	chr1:160185504-160232350	-0.0214257	0.999791
XLOC_023532	XLOC_023532	WBP5	chrX:102611379-102613397	-0.02141	0.999791
XLOC_014750	XLOC_014750	AP1B1	chr22:29723668-29784572	-0.0213891	0.999791
XLOC_015634	XLOC_015634	ACVR2B-AS1	chr3:38492517-38534633	-0.0213652	0.999791
XLOC_017710	XLOC_017710	LHFPL2	chr5:77781037-77944648	-0.021285	0.999791
XLOC_002559	XLOC_002559	BMPR1A	chr10:88516395-88684945	-0.0212391	0.999791
XLOC_003542	XLOC_003542	TMEM216	chr11:61159831-61166335	-0.0212242	0.999791
XLOC_001232	XLOC_001232	C1orf174	chr1:3805696-3816857	-0.021182	0.999791
XLOC_016488	XLOC_016488	EXOSC9	chr4:122722471-122745088	-0.0211303	0.999791
XLOC_009208	XLOC_009208	RPS6KB1	chr17:57970406-58027786	-0.0210977	0.999791
XLOC_001339	XLOC_001339	USP48	chr1:22004791-22109688	-0.0210968	0.999791
XLOC_012912	XLOC_012912	PSME4	chr2:54091203-54197977	-0.021083	0.999791
XLOC_022413	XLOC_022413	LOC389765	chr9:88420916-88457794	-0.0210065	0.999791
XLOC_020513	XLOC_020513	CCT6P3	chr7:64498731-64535091	-0.0209992	0.999791
XLOC_023393	XLOC_023393	USP27X	chrX:49644469-49647168	-0.0209647	0.999791
XLOC_000213	XLOC_000213	SFN	chr1:27189632-27190947	-0.0209503	0.999791
XLOC_006974	XLOC_006974	BEGAIN	chr14:101003483-101036131	-0.0209218	0.999791
XLOC_012584	XLOC_012584	NDUF3B	chr2:201936461-201950473	-0.0208592	0.999791

XLOC_004590	XLOC_004590	ZNF202	chr11:123594996-123612363	-0.0208441	0.999791
XLOC_014577	XLOC_014577	TNRC6B	chr22:40440820-40731812	-0.020759	0.999791
XLOC_007955	XLOC_007955	PDXDC1	chr16:15068832-15131552	-0.0207541	0.999791
XLOC_008704	XLOC_008704	ZDHC7	chr16:85008066-85045141	-0.0207411	0.999791
XLOC_016853	XLOC_016853	ADH5	chr4:99992129-100009931	-0.0207187	0.999791
XLOC_003032	XLOC_003032	ATAD1	chr10:89512874-89577917	-0.0207078	0.999791
XLOC_015918	XLOC_015918	ZNF148	chr3:124944512-125094198	-0.0206188	0.999791
XLOC_002692	XLOC_002692	PCDC4	chr10:112631552-112679124	-0.0206084	0.999791
XLOC_000243	XLOC_000243	SERINC2	chr1:31882411-31907527	-0.0205972	0.999791
XLOC_015228	XLOC_015228	TFG	chr3:100428133-100467811	-0.020595	0.999791
XLOC_018478	XLOC_018478	SMPDL3A	chr6:123109970-123130864	-0.020545	0.999791
XLOC_011420	XLOC_011420	KEAP1	chr19:10596795-10614054	-0.0205432	0.999791
XLOC_000406	XLOC_000406	TCEANC2	chr1:54519273-54565416	-0.0204683	0.999791
XLOC_001764	XLOC_001764	PDE4DIP	chr1:144851423-145076186	-0.0204377	0.999791
XLOC_009841	XLOC_009841	PPP1R9B	chr17:48211100-48227877	-0.0203668	0.999791
XLOC_013764	XLOC_013764	SLCO4A1	chr20:61273796-61303647	-0.0203402	0.999791
XLOC_009579	XLOC_009579	TLCD1	chr17:27046999-27053949	-0.0202783	0.999791
XLOC_010171	XLOC_010171	MAPRE2	chr18:32556891-32723432	-0.0202692	0.999791
XLOC_020666	XLOC_020666	AP1S1	chr7:100797685-100804557	-0.0202643	0.999791
XLOC_017511	XLOC_017511	PRELID1	chr5:176730762-176739292	-0.0202538	0.999791
XLOC_018830	XLOC_018830	TEAD3	chr6:35441373-35464861	-0.0202424	0.999791
XLOC_000058	XLOC_000058	PHF13	chr1:6673755-6684093	-0.0202235	0.999791
XLOC_003862	XLOC_003862	ABCG4	chr11:119019749-119033374	-0.0201874	0.999791
XLOC_008979	XLOC_008979	PSMD11	chr17:30771480-30810337	-0.0201333	0.999791
XLOC_016951	XLOC_016951	ANAPC10	chr4:145915726-146050676	-0.0201144	0.999791
XLOC_023436	XLOC_023436	LOC550643	chrX:56755717-56844004	-0.0200954	0.999791
XLOC_010271	XLOC_010271	METTL4	chr18:2537523-2571489	-0.0200809	0.999791
XLOC_010912	XLOC_010912	ZNF222	chr19:44529493-44537262	-0.0200678	0.999791
XLOC_003146	XLOC_003146	ABLIM1	chr10:116190868-116444414	-0.0200473	0.999791
XLOC_012900	XLOC_012900	ATP6V1E2	chr2:46738985-46747096	-0.0200024	0.999791
XLOC_013505	XLOC_013505	ATRN	chr20:3451664-3631769	-0.0199737	0.999791
XLOC_021776	XLOC_021776	ZFP41	chr8:144328990-144344875	-0.0199112	0.999791
XLOC_009350	XLOC_009350	GPS1	chr17:80009762-80015346	-0.0199041	0.999791
XLOC_018366	XLOC_018366	PTP4A1	chr6:64281919-64293489	-0.0198728	0.999791
XLOC_003742	XLOC_003742	EED	chr11:85955805-85989785	-0.0198714	0.999791
XLOC_014761	XLOC_014761	SF3A1	chr22:30727976-30773894	-0.0197672	0.999791
XLOC_005387	XLOC_005387	ZCRB1	chr12:42705887-42719932	-0.019683	0.999791
XLOC_016186	XLOC_016186	MSANTD1	chr4:3250766-3258342	-0.0195966	1
XLOC_011654	XLOC_011654	LOC643669	chr19:39399619-39402798	-0.019563	0.999791
XLOC_008361	XLOC_008361	PGP	chr16:2261602-2264822	-0.0194931	0.999791
XLOC_014616	XLOC_014616	NUP50	chr22:45559725-45583890	-0.0194244	0.999791
XLOC_003165	XLOC_003165	MCMBP	chr10:121588915-121633140	-0.0193651	0.999791
XLOC_016462	XLOC_016462	SEC24B	chr4:110351118-110461615	-0.01936	0.999791
XLOC_017772	XLOC_017772	PGGT1B	chr5:114546526-114598569	-0.0192963	0.999791
XLOC_012801	XLOC_012801	SMC6	chr2:17845078-17935096	-0.0192853	0.999791
XLOC_007861	XLOC_007861	SNHG9	chr16:2014996-2015505	-0.0192697	0.999791
XLOC_010453	XLOC_010453	NDUFS7	chr19:1383882-1395588	-0.0192581	0.999791
XLOC_003153	XLOC_003153	PDZD8	chr10:119042605-119134937	-0.0192527	0.999791
XLOC_005729	XLOC_005729	VSIG10	chr12:118501397-118541810	-0.0192312	0.999791
XLOC_001309	XLOC_001309	SDHB	chr1:17345224-17380665	-0.0192242	0.999791
XLOC_015314	XLOC_015314	PODXL2	chr3:127348001-127391653	-0.0192099	0.999791
XLOC_015789	XLOC_015789	PDHB	chr3:58413356-58419579	-0.0192068	0.999791
XLOC_018580	XLOC_018580	WTAP	chr6:160148029-160177352	-0.0191637	0.999791
XLOC_010521	XLOC_010521	CLPP	chr19:6361462-6368915	-0.0191547	0.999791
XLOC_010597	XLOC_010597	CNN1	chr19:11649578-11661138	-0.0191272	1
XLOC_015757	XLOC_015757	BAP1	chr3:52435024-52444009	-0.0190986	0.999791
XLOC_008976	XLOC_008976	RHOT1	chr17:30469472-30552746	-0.0190936	0.999791
XLOC_016373	XLOC_016373	IL8	chr4:74606222-74609433	-0.0190677	1
XLOC_018083	XLOC_018083	ALDH5A1	chr6:24495196-24537435	-0.0190373	0.999791
XLOC_007336	XLOC_007336	MORF4L1	chr15:79165122-79190081	-0.0190369	0.999791
XLOC_013307	XLOC_013307	FAM126B	chr2:201838440-201936392	-0.0189723	0.999791
XLOC_003381	XLOC_003381	DNAJC24	chr11:31391376-31531169	-0.0189096	0.999791
XLOC_017580	XLOC_017580	DAP	chr5:10679341-10761387	-0.0188614	0.999791
XLOC_012926	XLOC_012926	BCL11A	chr2:60678301-60780633	-0.018781	0.999791
XLOC_001447	XLOC_001447	EVA1B	chr1:36787631-36789755	-0.0187758	0.999791
XLOC_000324	XLOC_000324	C1orf50	chr1:43232915-43241413	-0.0187607	0.999791
XLOC_007324	XLOC_007324	HMG20A	chr15:77713242-77777945	-0.0187518	0.999791
XLOC_022630	XLOC_022630	GTF3C5	chr9:135906061-135933890	-0.0187245	0.999791
XLOC_011707	XLOC_011707	CNFN	chr19:42891170-42894444	-0.0187117	0.999791
XLOC_011963	XLOC_011963	PPP6R1	chr19:55741146-55770038	-0.0186952	0.999791
XLOC_016851	XLOC_016851	TSPAN5	chr4:99391517-99579812	-0.0186342	0.999791
XLOC_006002	XLOC_006002	LAMP1	chr13:113951468-113977741	-0.0186012	0.999791
XLOC_011913	XLOC_011913	ZNF432	chr19:52536676-52552073	-0.0185468	0.999791
XLOC_008283	XLOC_008283	ZC3H18	chr16:88636788-88698372	-0.0184686	0.999791
XLOC_016912	XLOC_016912	MAD2L1	chr4:120980578-120988013	-0.0184022	0.999791
XLOC_010837	XLOC_010837	EIF3K	chr19:39109721-39127595	-0.0183286	0.999791
XLOC_018199	XLOC_018199	PRRC2A	chr6:31588449-31605554	-0.0183233	0.999791
XLOC_000677	XLOC_000677	TARS2	chr1:150459839-150480085	-0.0182707	0.999791
XLOC_011051	XLOC_011051	POLD1	chr19:50887579-50921275	-0.0182528	0.999791

XLOC_015099	XLOC_015099	WDR6	chr3:49044636-49060926	-0.0182311	0.999791
XLOC_002344	XLOC_002344	DHTKD1	chr10:12110933-12165224	-0.0182214	0.999791
XLOC_000736	XLOC_000736	RPS27	chr1:153963238-153964631	-0.0182194	0.999791
XLOC_008592	XLOC_008592	KIFC3	chr16:57792128-57836439	-0.01818	0.999791
XLOC_015836	XLOC_015836	MINA	chr3:97540883-97691295	-0.0181534	0.999791
XLOC_008616	XLOC_008616	TRADD	chr16:67188088-67193812	-0.0181068	0.999791
XLOC_010624	XLOC_010624	CCDC130	chr19:13858752-13874106	-0.0180933	0.999791
XLOC_002749	XLOC_002749	ZRANB1	chr10:126630691-126676005	-0.0180676	0.999791
XLOC_003155	XLOC_003155	RAB11FIP2	chr10:119764426-119806114	-0.0180526	0.999791
XLOC_008864	XLOC_008864	COX10	chr17:13932608-14111996	-0.018023	0.999791
XLOC_020626	XLOC_020626	ARPC1A	chr7:98923495-98963885	-0.0180076	0.999791
XLOC_000680	XLOC_000680	ADAMTSL4	chr1:150521897-150533412	-0.017993	0.999791
XLOC_017551	XLOC_017551	SLC12A7	chr5:1050488-1112172	-0.0179667	0.999791
XLOC_000564	XLOC_000564	ATXN7L2	chr1:110026560-110035420	-0.0179464	0.999791
XLOC_009003	XLOC_009003	ZNHIT3	chr17:34842472-34891305	-0.0179365	0.999791
XLOC_003816	XLOC_003816	DIXDC1	chr11:111797867-111893307	-0.0178825	0.999791
XLOC_013139	XLOC_013139	AMMECR1L	chr2:128619206-128643514	-0.0178672	0.999791
XLOC_002243	XLOC_002243	EXOC8	chr1:231468481-231473578	-0.0178387	0.999791
XLOC_018038	XLOC_018038	RREB1	chr6:7107829-7252213	-0.0178011	0.999791
XLOC_002945	XLOC_002945	ZWINT	chr10:58117198-58121034	-0.0177834	0.999791
XLOC_021576	XLOC_021576	HOOK3	chr8:42752032-42885682	-0.0177491	0.999791
XLOC_010446	XLOC_010446	STK11	chr19:1205797-1228434	-0.0177465	0.999791
XLOC_014599	XLOC_014599	FAM109B	chr22:42470254-42475442	-0.0177462	0.999791
XLOC_021290	XLOC_021290	NDUFA5	chr7:123181082-123197958	-0.0177356	0.999791
XLOC_004781	XLOC_004781	ARNTL2	chr12:27485786-27578746	-0.0176973	0.999791
XLOC_006162	XLOC_006162	MYCBP2	chr13:77618791-77901177	-0.017671	0.999791
XLOC_015001	XLOC_015001	CMTM7	chr3:32433162-32496333	-0.017638	0.999791
XLOC_004568	XLOC_004568	SLC37A4	chr11:118895060-118901616	-0.0176123	0.999791
XLOC_007531	XLOC_007531	VPS39	chr15:42450898-42500502	-0.0176086	0.999791
XLOC_003498	XLOC_003498	C11orf31	chr11:57479994-57586652	-0.017606	0.999791
XLOC_001904	XLOC_001904	PAQR6	chr1:156182778-156217908	-0.0176006	0.999791
XLOC_012472	XLOC_012472	ARL6IP6	chr2:153574406-153617767	-0.0175935	0.999791
XLOC_007804	XLOC_007804	TM2D3	chr15:102182048-102192594	-0.0175872	0.999791
XLOC_016574	XLOC_016574	CLCN3	chr4:170541671-170644338	-0.017578	0.999791
XLOC_022036	XLOC_022036	TRAM1	chr8:71485452-71520694	-0.0175633	0.999791
XLOC_015007	XLOC_015007	PDCD6IP	chr3:33840062-33911199	-0.0175194	0.999791
XLOC_013372	XLOC_013372	SLC23A3	chr2:220026180-220034817	-0.0174681	0.999791
XLOC_017670	XLOC_017670	ELOVL7	chr5:60047615-60140101	-0.0174639	0.999791
XLOC_006868	XLOC_006868	ACTN1	chr14:69340839-69446083	-0.0174595	0.999791
XLOC_002887	XLOC_002887	ZNF25	chr10:38238794-38265453	-0.0174296	0.999791
XLOC_009373	XLOC_009373	MYO1C	chr17:1367479-1396001	-0.0174186	0.999791
XLOC_014191	XLOC_014191	SLC37A1	chr21:43919741-44001550	-0.0174158	0.999791
XLOC_015561	XLOC_015561	TADA3	chr3:9821653-9878040	-0.0173093	0.999791
XLOC_016448	XLOC_016448	NFKB1	chr4:103422485-103538459	-0.0172909	0.999791
XLOC_010425	XLOC_010425	BSG	chr19:571276-583493	-0.017287	0.999791
XLOC_007925	XLOC_007925	LOC440335	chr16:4827614-4846492	-0.0172743	1
XLOC_011448	XLOC_011448	ZNF799	chr19:12500827-12512088	-0.017274	0.999791
XLOC_000693	XLOC_000693	PSMB4	chr1:151372040-151374412	-0.0172724	0.999791
XLOC_008474	XLOC_008474	EARS2	chr16:23533333-23568696	-0.0172565	0.999791
XLOC_023496	XLOC_023496	SH3BGR1	chrX:80369199-80554046	-0.0172465	0.999791
XLOC_003850	XLOC_003850	ARCN1	chr11:118443101-118473747	-0.0172394	0.999791
XLOC_012381	XLOC_012381	CHCHD5	chr2:113342035-113346617	-0.0172094	0.999791
XLOC_013759	XLOC_013759	OSBP12	chr20:60813579-60871269	-0.0172018	0.999791
XLOC_006802	XLOC_006802	CDKL1	chr14:50796719-50862617	-0.0171192	0.999791
XLOC_019064	XLOC_019064	C6orf170	chr6:121400626-121655644	-0.0171157	1
XLOC_015560	XLOC_015560	CAMK1	chr3:9791627-9811668	-0.0170624	0.999791
XLOC_021740	XLOC_021740	NDUFB9	chr8:125551342-125562227	-0.0169471	0.999791
XLOC_010616	XLOC_010616	MAST1	chr19:12949258-12985766	-0.016928	0.999791
XLOC_011221	XLOC_011221	ZNF547	chr19:57874878-57890925	-0.0168819	0.999791
XLOC_007184	XLOC_007184	CTDSP12	chr15:44719578-44819429	-0.0168498	0.999791
XLOC_002828	XLOC_002828	NMT2	chr10:15147770-15210695	-0.0168384	0.999791
XLOC_006842	XLOC_006842	SIX4	chr14:61176255-61190852	-0.0167553	0.999791
XLOC_006142	XLOC_006142	THSD1	chr13:52951302-52980629	-0.0167085	0.999791
XLOC_003895	XLOC_003895	ROBO3	chr11:124735304-124751370	-0.0166179	0.999791
XLOC_002352	XLOC_002352	PRPF18	chr10:13628938-13672868	-0.0166031	0.999791
XLOC_007564	XLOC_007564	FBN1	chr15:48700502-48937985	-0.0166016	1
XLOC_001550	XLOC_001550	SELRC1	chr1:53152013-53164038	-0.0165588	0.999791
XLOC_022147	XLOC_022147	RAD21	chr8:117858172-117889107	-0.0165547	0.999791
XLOC_017296	XLOC_017296	PRRC1	chr5:126853308-126890780	-0.0165391	0.999791
XLOC_023368	XLOC_023368	TBC1D25	chrX:48398074-48420997	-0.0164796	0.999791
XLOC_015849	XLOC_015849	ZBTB11	chr3:101368282-101398057	-0.0164284	0.999791
XLOC_017855	XLOC_017855	APBB3	chr5:139937852-139944189	-0.0164156	0.999791
XLOC_007883	XLOC_007883	TBC1D24	chr16:2525146-2555734	-0.0163222	0.999791
XLOC_000945	XLOC_000945	TROVE2	chr1:192981495-193060906	-0.0162071	0.999791
XLOC_011040	XLOC_011040	MED25	chr19:50321535-50340237	-0.0161713	0.999791
XLOC_016103	XLOC_016103	RFC4	chr3:186501360-186524484	-0.0161355	0.999791
XLOC_017900	XLOC_017900	ZNF300	chr5:150273953-150284545	-0.0160974	0.999791
XLOC_018178	XLOC_018178	DDR1	chr6:30851860-30867933	-0.0160392	0.999791
XLOC_002972	XLOC_002972	SAR1A	chr10:71909960-71930285	-0.0160343	0.999791

XLOC_011305	XLOC_011305	TLE2	chr19:2997635-3047633	-0.015985	0.999791
XLOC_015889	XLOC_015889	POPDC2	chr3:119360907-119379404	-0.0159407	1
XLOC_021794	XLOC_021794	FAM203A	chr8:145192671-145195620	-0.0159395	0.999791
XLOC_011298	XLOC_011298	TIMM13	chr19:2389783-2427875	-0.0158946	0.999791
XLOC_008585	XLOC_008585	BBS2	chr16:56518258-56554008	-0.0158769	0.999791
XLOC_004475	XLOC_004475	CWC15	chr11:94695786-94706776	-0.0157333	0.999791
XLOC_014181	XLOC_014181	BACE2	chr21:42539727-42648524	-0.0156969	0.999791
XLOC_003567	XLOC_003567	TAF6L	chr11:62538774-62554813	-0.0156818	0.999791
XLOC_016673	XLOC_016673	RAB28	chr4:13369346-13485989	-0.0155722	0.999791
XLOC_003988	XLOC_003988	CHRNA10	chr11:3686816-3692614	-0.0155503	0.999791
XLOC_003204	XLOC_003204	ADAM8	chr10:135075919-135090407	-0.0155304	0.999791
XLOC_006644	XLOC_006644	TRMT61A	chr14:103995508-104003410	-0.0155091	0.999791
XLOC_010053	XLOC_010053	RFNG	chr17:80005777-80009650	-0.0155018	0.999791
XLOC_009740	XLOC_009740	RAB5C	chr17:40276993-40307062	-0.0154964	0.999791
XLOC_007343	XLOC_007343	FAH	chr15:80445232-80478924	-0.015477	0.999791
XLOC_022390	XLOC_022390	SMC5	chr9:72873877-72969789	-0.0153973	0.999791
XLOC_000194	XLOC_000194	SEPN1	chr1:26126666-26144713	-0.0153931	0.999791
XLOC_020629	XLOC_020629	CPSF4	chr7:99006600-99063824	-0.0153855	0.999791
XLOC_017515	XLOC_017515	PRR7	chr5:176853686-176883287	-0.0153409	0.999791
XLOC_024001	XLOC_024001	LOC286437	chrX:103139054-103401708	-0.0153303	1
XLOC_012997	XLOC_012997	LOXL3	chr2:74753774-74784678	-0.015303	0.999791
XLOC_007855	XLOC_007855	MAPK8IP3	chr16:1756220-1820318	-0.0152685	0.999791
XLOC_010533	XLOC_010533	ZNF358	chr19:7581003-7585911	-0.0152337	0.999791
XLOC_010344	XLOC_010344	EPG5	chr18:43427573-43547305	-0.0151917	0.999791
XLOC_009777	XLOC_009777	FAM171A2	chr17:42431100-42441235	-0.0151829	0.999791
XLOC_015476	XLOC_015476	AP2M1	chr3:183892633-183901879	-0.0151622	0.999791
XLOC_006833	XLOC_006833	FLJ31306	chr14:58711522-58764855	-0.0151395	0.999791
XLOC_022512	XLOC_022512	SLC31A1	chr9:115983807-116026772	-0.0151227	0.999791
XLOC_016959	XLOC_016959	LRBA	chr4:151185810-151936649	-0.0150981	0.999791
XLOC_021569	XLOC_021569	AGPAT6	chr8:41435706-41482520	-0.0150559	0.999791
XLOC_006986	XLOC_006986	XRCC3	chr14:104095524-104181823	-0.0150372	0.999791
XLOC_006785	XLOC_006785	KLHL28	chr14:45393526-45431179	-0.0150171	0.999791
XLOC_006100	XLOC_006100	TSC22D1	chr13:45006278-45154568	-0.014984	0.999791
XLOC_016534	XLOC_016534	RPS3A	chr4:152020724-152025804	-0.0149702	0.999791
XLOC_022783	XLOC_022783	APTX	chr9:32972603-33001639	-0.0149598	0.999791
XLOC_008319	XLOC_008319	C16orf13	chr16:684428-686347	-0.0149247	0.999791
XLOC_000146	XLOC_000146	PQLC2	chr1:19638739-19655794	-0.0149111	0.999791
XLOC_011182	XLOC_011182	EPS8L1	chr19:55587220-55599291	-0.0148834	0.999791
XLOC_010040	XLOC_010040	FAM195B	chr17:79780292-79791167	-0.0148594	0.999791
XLOC_004427	XLOC_004427	KCTD14,NDUFC2,NDUFC2-KCTD14	chr11:77726760-77850699	-0.0148302	0.999791
XLOC_010197	XLOC_010197	SCARNA17	chr18:47340392-47340813	-0.0147907	0.999791
XLOC_009073	XLOC_009073	MLX	chr17:40719077-40729849	-0.0147853	0.999791
XLOC_004320	XLOC_004320	FAU	chr11:64888098-64902003	-0.0147694	0.999791
XLOC_001611	XLOC_001611	CRYZ	chr1:75171171-75232360	-0.0147546	0.999791
XLOC_020455	XLOC_020455	CDK13	chr7:39989958-40136733	-0.0147446	0.999791
XLOC_006341	XLOC_006341	LRR1	chr14:50065414-50081390	-0.0146842	0.999791
XLOC_007309	XLOC_007309	SCAMP5	chr15:75287875-75313836	-0.014615	0.999791
XLOC_002763	XLOC_002763	PPP2R2D	chr10:133747959-133770053	-0.0145921	0.999791
XLOC_022960	XLOC_022960	AAED1	chr9:99403532-99417599	-0.0145909	0.999791
XLOC_018886	XLOC_018886	ZNF318	chr6:43303807-43337181	-0.0145612	0.999791
XLOC_005420	XLOC_005420	ADCY6	chr12:49159974-49182820	-0.0145161	0.999791
XLOC_013820	XLOC_013820	SNRPB	chr20:2442280-2451499	-0.0144874	0.999791
XLOC_003096	XLOC_003096	SEC31B	chr10:102246402-102279595	-0.0144453	0.999791
XLOC_023123	XLOC_023123	MED27	chr9:134735496-134955274	-0.0144204	0.999791
XLOC_017321	XLOC_017321	TCF7	chr5:133450401-133483920	-0.0144035	0.999791
XLOC_013928	XLOC_013928	NECAB3	chr20:32244892-32262264	-0.0143766	0.999791
XLOC_020623	XLOC_020623	TRRAP	chr7:98476112-98610866	-0.0143758	0.999791
XLOC_008363	XLOC_008363	RNPS1	chr16:2303099-2318413	-0.0143667	0.999791
XLOC_015653	XLOC_015653	SNRK-AS1	chr3:43328003-43393454	-0.0142674	1
XLOC_003543	XLOC_003543	SDHAF2	chr11:61197596-61214239	-0.0141914	0.999791
XLOC_006068	XLOC_006068	STARD13	chr13:33677271-34250932	-0.0141754	0.999791
XLOC_009039	XLOC_009039	PSMD3	chr17:38137020-38154213	-0.0141642	0.999791
XLOC_012317	XLOC_012317	CNNM3	chr2:97481990-97501121	-0.0141282	0.999791
XLOC_020904	XLOC_020904	FTSJ2	chr7:2273925-2281833	-0.0141216	0.999791
XLOC_015165	XLOC_015165	C3orf14	chr3:62305395-62319320	-0.0141115	1
XLOC_009850	XLOC_009850	TOB1	chr17:48939586-48945732	-0.0140724	0.999791
XLOC_007345	XLOC_007345	FAM108C1	chr15:80987651-81047962	-0.0140345	0.999791
XLOC_013744	XLOC_013744	GNAS	chr20:57393972-57486250	-0.0140236	0.999791
XLOC_016276	XLOC_016276	PGM2	chr4:37828281-37864559	-0.0139837	0.999791
XLOC_021352	XLOC_021352	BRAF	chr7:140433812-140624564	-0.0139366	0.999791
XLOC_020462	XLOC_020462	BLVRA	chr7:43798271-43846941	-0.01389	0.999791
XLOC_023042	XLOC_023042	PSMD5	chr9:123578331-123605299	-0.0138883	0.999791
XLOC_009258	XLOC_009258	COG1	chr17:71189172-71228533	-0.0138797	0.999791
XLOC_020567	XLOC_020567	MDH2	chr7:75677392-75695930	-0.0138745	0.999791
XLOC_002465	XLOC_002465	CISD1	chr10:60028861-60049019	-0.0138655	0.999791
XLOC_006698	XLOC_006698	CHD8	chr14:21853352-21905457	-0.0138455	0.999791
XLOC_013611	XLOC_013611	CHMP4B	chr20:32399109-32442173	-0.0138193	0.999791
XLOC_018889	XLOC_018889	YIPF3	chr6:43479564-43484728	-0.0137831	0.999791
XLOC_008732	XLOC_008732	CHMP1A	chr16:89710838-89736866	-0.0137801	0.999791

XLOC_023788	XLOC_023788	RPS6KA3	chrX:20168028-20284750	-0.0137621	0.999791
XLOC_005171	XLOC_005171	DDX55	chr12:124086671-124105482	-0.0137232	0.999791
XLOC_022561	XLOC_022561	GAPVD1	chr9:128024110-128127290	-0.0137012	0.999791
XLOC_013122	XLOC_013122	C1QL2	chr2:119913818-119916471	-0.0136905	1
XLOC_010460	XLOC_010460	LOC100288123	chr19:1815244-1848452	-0.0136771	1
XLOC_003628	XLOC_003628	MUS81	chr11:65627871-65640405	-0.0136695	0.999791
XLOC_017861	XLOC_017861	TAF7	chr5:140698056-140700351	-0.0136307	0.999791
XLOC_018808	XLOC_018808	RXR8	chr6:33161361-33168473	-0.0136177	0.999791
XLOC_004159	XLOC_004159	AMBRA1	chr11:46417961-46615619	-0.0135998	0.999791
XLOC_003702	XLOC_003702	P2RY2	chr11:72929343-72947395	-0.0135782	0.999791
XLOC_010530	XLOC_010530	ZNF557	chr19:7069470-7087978	-0.013512	0.999791
XLOC_008466	XLOC_008466	RRN3P1	chr16:21807950-21830495	-0.0134883	0.999791
XLOC_012240	XLOC_012240	SMYD5	chr2:73441365-73454355	-0.0134802	0.999791
XLOC_011410	XLOC_011410	ANGPTL6	chr19:10196805-10213425	-0.0134066	0.999791
XLOC_016309	XLOC_016309	DCUN1D4	chr4:52709275-52783003	-0.0133961	0.999791
XLOC_006201	XLOC_006201	TMTC4	chr13:101256089-101327103	-0.0133427	0.999791
XLOC_024203	XLOC_024203	F8	chrX:154064063-154250998	-0.0133367	0.999791
XLOC_010719	XLOC_010719	ZNF253	chr19:19976713-20004293	-0.0132685	0.999791
XLOC_016786	XLOC_016786	ANKRD17	chr4:73940501-74124502	-0.0132312	0.999791
XLOC_009517	XLOC_009517	TRIM16	chr17:15531279-15586193	-0.0131992	0.999791
XLOC_010631	XLOC_010631	CC2D1A	chr19:14016955-14041693	-0.0131855	0.999791
XLOC_008991	XLOC_008991	FNDC8	chr17:33448630-3345751	-0.0131434	0.999791
XLOC_020876	XLOC_020876	LOC202781	chr7:154795142-154797413	-0.0131405	0.999791
XLOC_013310	XLOC_013310	TRAK2	chr2:202241929-202316319	-0.0130978	0.999791
XLOC_006680	XLOC_006680	CENB1IP1	chr14:20779526-20801471	-0.0130005	0.999791
XLOC_016126	XLOC_016126	LRRC15	chr3:194075975-194090472	-0.0129736	1
XLOC_010206	XLOC_010206	C18orf54	chr18:51885170-51908404	-0.0129709	0.999791
XLOC_005931	XLOC_005931	BORA	chr13:73302041-73590591	-0.012951	0.999791
XLOC_019053	XLOC_019053	ZUFSP	chr6:116956780-116989973	-0.0129313	0.999791
XLOC_021552	XLOC_021552	ASH2L	chr8:37963010-37997598	-0.0128853	0.999791
XLOC_022511	XLOC_022511	SLC31A2	chr9:115913237-115926422	-0.0128757	0.999791
XLOC_014762	XLOC_014762	KIAA1656	chr22:30727976-30773894	-0.0128568	0.999791
XLOC_022716	XLOC_022716	RLN2	chr9:5299865-5304611	-0.0128476	1
XLOC_022588	XLOC_022588	CERCAM	chr9:131182758-131199630	-0.012832	0.999791
XLOC_006322	XLOC_006322	KIAA0391	chr14:35591526-35743284	-0.0128139	0.999791
XLOC_003610	XLOC_003610	DPF2	chr11:65101224-65120451	-0.0127369	0.999791
XLOC_008720	XLOC_008720	CYBA	chr16:88709696-88717492	-0.0127043	0.999791
XLOC_016577	XLOC_016577	GALNT7	chr4:174089903-174245118	-0.0126982	0.999791
XLOC_000018	XLOC_000018	PUSL1	chr11:1243993-1260067	-0.0126806	0.999791
XLOC_015183	XLOC_015183	MITF	chr3:69788585-70017488	-0.0126057	0.999791
XLOC_010418	XLOC_010418	TXNL4A	chr18:77732866-77748532	-0.0125711	0.999791
XLOC_009158	XLOC_009158	DLX4	chr17:48046561-48052323	-0.0125652	0.999791
XLOC_009069	XLOC_009069	ATP6V0A1	chr17:40610861-40674597	-0.0125276	0.999791
XLOC_014644	XLOC_014644	PPP6R2	chr22:50781745-50913464	-0.0125179	0.999791
XLOC_009773	XLOC_009773	ATXN7L3	chr17:42269172-42275529	-0.0125106	0.999791
XLOC_008399	XLOC_008399	ANKS3	chr16:4746510-4799397	-0.0124977	0.999791
XLOC_013973	XLOC_013973	CHD6	chr20:40031169-40247133	-0.0124916	0.999791
XLOC_022229	XLOC_022229	EPPK1	chr8:144939911-144947434	-0.0124765	1
XLOC_000281	XLOC_000281	AGO1	chr1:36348809-36389899	-0.0124748	0.999791
XLOC_013243	XLOC_013243	ATP5G3	chr2:176040985-176046490	-0.0124643	0.999791
XLOC_021407	XLOC_021407	RHEB	chr7:151163097-151217010	-0.0124302	0.999791
XLOC_005502	XLOC_005502	ITGA5	chr12:54789044-54813050	-0.0124257	0.999791
XLOC_000900	XLOC_000900	RASAL2	chr1:178060642-178448648	-0.0124074	0.999791
XLOC_015597	XLOC_015597	ANKRD28	chr3:15708743-15901053	-0.0123638	0.999791
XLOC_008018	XLOC_008018	CCDC101	chr16:28565248-28603111	-0.0123501	0.999791
XLOC_020442	XLOC_020442	SEPT7	chr7:35840595-35946715	-0.0122846	0.999791
XLOC_015782	XLOC_015782	IL17RD	chr3:57124009-57199403	-0.0122685	0.999791
XLOC_014890	XLOC_014890	PKDREJ	chr22:46651559-46659219	-0.0121219	1
XLOC_017061	XLOC_017061	NDUFS6	chr5:1801495-1816167	-0.0121681	0.999791
XLOC_000542	XLOC_000542	AMY2B,RNPC3	chr1:104068577-104122149	-0.0121231	0.999791
XLOC_005617	XLOC_005617	GALNT4,POC1B,POC1B-GALNT4	chr12:89813497-89920039	-0.0121047	0.999791
XLOC_018652	XLOC_018652	CCDC90A	chr6:13786780-13814792	-0.0120581	0.999791
XLOC_012533	XLOC_012533	MTX2	chr2:177134122-177202753	-0.0120578	0.999791
XLOC_017897	XLOC_017897	RPS14	chr5:149823791-149829319	-0.0120061	0.999791
XLOC_006198	XLOC_006198	ZIC5	chr13:100615274-100624178	-0.0119938	0.999791
XLOC_013236	XLOC_013236	CIR1	chr2:175212877-175260443	-0.0119823	0.999791
XLOC_003662	XLOC_003662	RPS6KB2	chr11:67195934-67202879	-0.011889	0.999791
XLOC_007329	XLOC_007329	DNAJA4	chr15:78556486-78574538	-0.0118718	0.999791
XLOC_017951	XLOC_017951	UBTD2	chr5:171636649-171710795	-0.011851	0.999791
XLOC_004086	XLOC_004086	PSMA1	chr11:14526421-14665180	-0.0118258	0.999791
XLOC_005941	XLOC_005941	CLN5	chr13:77566058-77576652	-0.0117938	0.999791
XLOC_001422	XLOC_001422	MARCKSL1	chr1:32799429-32801840	-0.0117891	0.999791
XLOC_009751	XLOC_009751	EZH1	chr17:40852292-40897071	-0.0117502	0.999791
XLOC_022829	XLOC_022829	GNE	chr9:36214438-36277053	-0.0117305	0.999791
XLOC_007212	XLOC_007212	USP8	chr15:50716578-50838902	-0.0116813	0.999791
XLOC_020524	XLOC_020524	TMEM248	chr7:66386202-66423538	-0.0116574	0.999791
XLOC_013770	XLOC_013770	GID8	chr20:61569440-61579827	-0.0116372	0.999791
XLOC_017167	XLOC_017167	MARVELD2	chr5:68710938-68737890	-0.0116151	0.999791
XLOC_011303	XLOC_011303	SGTA	chr19:2754711-2783354	-0.0115973	0.999791

XLOC_008894	XLOC_008894	LLGL1	chr17:18128935-18162230	-0.0115835	0.999791
XLOC_011822	XLOC_011822	GYS1	chr19:49471381-49496610	-0.0115157	0.999791
XLOC_017848	XLOC_017848	DNAJC18	chr5:138745891-138775214	-0.0114635	0.999791
XLOC_006682	XLOC_006682	RPPH1	chr14:20811229-20811570	-0.0114353	0.999791
XLOC_011273	XLOC_011273	C19orf26	chr19:1229946-1237990	-0.0114153	0.999791
XLOC_018143	XLOC_018143	PGBD1	chr6:28249313-28270326	-0.0113651	0.999791
XLOC_017428	XLOC_017428	SMIM3	chr5:150157507-150176298	-0.0113628	0.999791
XLOC_009114	XLOC_009114	HEXIM1	chr17:43224683-43229468	-0.01133	0.999791
XLOC_001292	XLOC_001292	FLJ37453	chr1:16160709-16266950	-0.0112813	0.999791
XLOC_009413	XLOC_009413	UBE2G1	chr17:4172511-4269969	-0.0112041	0.999791
XLOC_021325	XLOC_021325	CHCHD3	chr7:132469622-132766828	-0.0112014	0.999791
XLOC_023578	XLOC_023578	PLS3	chrX:114795176-114885179	-0.0111557	0.999791
XLOC_004265	XLOC_004265	GANAB	chr11:62392297-62414104	-0.0111044	0.999791
XLOC_003317	XLOC_003317	RPL27A	chr11:8703994-8711419	-0.0110618	0.999791
XLOC_022983	XLOC_022983	TMEM246	chr9:104237607-104249475	-0.0110503	0.999791
XLOC_010502	XLOC_010502	HDFGRP2	chr19:4472254-4517716	-0.0109918	0.999791
XLOC_007410	XLOC_007410	RCCD1	chr15:91498105-91506355	-0.0109659	0.999791
XLOC_015675	XLOC_015675	CCDC12	chr3:66963230-47051194	-0.0109591	0.999791
XLOC_023024	XLOC_023024	ALAD	chr9:116148591-116163618	-0.0109477	0.999791
XLOC_004987	XLOC_004987	CNOT2	chr12:70636773-70748773	-0.0109288	0.999791
XLOC_003093	XLOC_003093	SNORA12	chr10:101992054-102027437	-0.0109128	0.999791
XLOC_001826	XLOC_001826	S100A10	chr1:151955385-151966714	-0.010842	0.999791
XLOC_003143	XLOC_003143	DCLRE1A	chr10:115594482-115614163	-0.0108045	0.999791
XLOC_015019	XLOC_015019	MYD88	chr3:38179968-38184512	-0.0107202	0.999791
XLOC_012588	XLOC_012588	STRADB	chr2:202316391-202345574	-0.0106977	0.999791
XLOC_005197	XLOC_005197	EP400	chr12:132434464-132565011	-0.0106919	0.999791
XLOC_009926	XLOC_009926	CEP112	chr17:63631657-64188212	-0.0106762	0.999791
XLOC_014062	XLOC_014062	LAMA5	chr20:60884120-60942368	-0.010624	0.999791
XLOC_005036	XLOC_005036	SNRPF	chr12:96252708-96260238	-0.0106219	0.999791
XLOC_000343	XLOC_000343	B4GALT2	chr1:44444873-44456843	-0.0106122	0.999791
XLOC_012187	XLOC_012187	RPS27A	chr2:55399686-55462989	-0.0105772	0.999791
XLOC_000077	XLOC_000077	APITD1,APITD1-CORT,CORT	chr1:10490158-10512060	-0.0105709	0.999791
XLOC_023597	XLOC_023597	MCTS1	chrX:119737743-119755016	-0.0104834	0.999791
XLOC_010378	XLOC_010378	TXNL1	chr18:54270052-54305920	-0.0104543	0.999791
XLOC_017251	XLOC_017251	PPIP5K2	chr5:102455957-102539224	-0.0103712	0.999791
XLOC_008315	XLOC_008315	AXIN1	chr16:337439-402676	-0.0103635	0.999791
XLOC_013946	XLOC_013946	CPNE1,RBM12	chr20:34213952-34252878	-0.0103532	0.999791
XLOC_011961	XLOC_011961	PTPRH	chr19:55692614-55720874	-0.010351	0.999791
XLOC_003822	XLOC_003822	PTS	chr11:112097087-112104695	-0.0103349	0.999791
XLOC_016144	XLOC_016144	RNF168	chr3:196195656-196230639	-0.0102882	0.999791
XLOC_008288	XLOC_008288	TRAPPC2L	chr16:88923505-88927520	-0.010285	0.999791
XLOC_005518	XLOC_005518	SMARCC2	chr12:56555635-56583351	-0.0102205	0.999791
XLOC_015467	XLOC_015467	LOC100505687	chr3:183165395-183173800	-0.0101474	0.999791
XLOC_014490	XLOC_014490	ZNRF3	chr22:29279754-29453476	-0.0100876	0.999791
XLOC_017514	XLOC_017514	GRK6	chr5:176853686-176883287	-0.0100761	0.999791
XLOC_012475	XLOC_012475	GPD2	chr2:157291964-157442915	-0.0100614	0.999791
XLOC_009318	XLOC_009318	PGS1	chr17:76374734-76573476	-0.0100295	0.999791
XLOC_004637	XLOC_004637	THYN1	chr11:134118172-134123260	-0.0100093	0.999791
XLOC_010638	XLOC_010638	PKN1	chr19:14544165-14582679	-0.00996811	0.999791
XLOC_008699	XLOC_008699	HSDL1	chr16:84155743-84178800	-0.00992519	0.999791
XLOC_009921	XLOC_009921	MIR4315-1,PLEKHM1P	chr17:62780958-62833302	-0.00990717	0.999791
XLOC_017183	XLOC_017183	TNPO1	chr5:72112417-72210215	-0.00990353	0.999791
XLOC_012918	XLOC_012918	SMEK2	chr2:55775513-55844796	-0.00987095	0.999791
XLOC_012014	XLOC_012014	UBE2M	chr19:59067078-59070343	-0.0098642	0.999791
XLOC_005740	XLOC_005740	TRIAP1	chr12:120881763-120884215	-0.0098264	0.999791
XLOC_005633	XLOC_005633	NR2C1	chr12:95414004-95467404	-0.00981063	0.999791
XLOC_009851	XLOC_009851	SPAG9	chr17:49039534-49198226	-0.00980717	0.999791
XLOC_000228	XLOC_000228	ATPIF1	chr1:28562601-28564616	-0.00976544	0.999791
XLOC_017289	XLOC_017289	PRDM6	chr5:122424840-122523745	-0.00973066	1
XLOC_001478	XLOC_001478	BMP8B	chr1:40204516-40254533	-0.00970027	0.999791
XLOC_012193	XLOC_012193	PAPOLG	chr2:60983364-61029221	-0.00969225	0.999791
XLOC_008024	XLOC_008024	NFATC2IP	chr16:28962317-28977767	-0.0096153	0.999791
XLOC_013779	XLOC_013779	ARFGAP1	chr20:61904164-61921142	-0.00958056	0.999791
XLOC_014638	XLOC_014638	CRELD2	chr22:50312282-50321186	-0.00954751	0.999791
XLOC_001434	XLOC_001434	CSMD2	chr1:33979608-34631443	-0.00953948	1
XLOC_018444	XLOC_018444	CDC40	chr6:110501623-110553422	-0.00951458	0.999791
XLOC_015446	XLOC_015446	TMEM212	chr3:171561138-171577108	-0.0095112	1
XLOC_014067	XLOC_014067	LOC100127888	chr20:61273796-61303647	-0.00951093	0.999791
XLOC_009882	XLOC_009882	TUBD1	chr17:57936840-57970306	-0.00949271	0.999791
XLOC_005999	XLOC_005999	F10	chr13:113777112-113803843	-0.00945943	1
XLOC_000032	XLOC_000032	PRKCZ	chr1:1981908-2144159	-0.00944476	0.999791
XLOC_000231	XLOC_000231	PHACTR4	chr1:28696092-28826881	-0.00942685	0.999791
XLOC_001215	XLOC_001215	C1orf86	chr1:1981908-2144159	-0.00941904	0.999791
XLOC_022254	XLOC_022254	ZNF250	chr8:146102335-146126846	-0.00938842	0.999791
XLOC_002546	XLOC_002546	FAM213A	chr10:82167584-82192753	-0.00934909	0.999791
XLOC_007567	XLOC_007567	SECISBP2L	chr15:49280834-49338760	-0.00932808	0.999791
XLOC_021227	XLOC_021227	PLOD3	chr7:100849257-100867471	-0.00929738	0.999791
XLOC_000750	XLOC_000750	ADAM15	chr1:155006281-155042029	-0.00925974	0.999791
XLOC_011501	XLOC_011501	WIZ	chr19:15532317-15560762	-0.00924628	0.999791

XLOC_020434	XLOC_020434	AVL9	chr7:32535175-32758780	-0.00919744	0.999791
XLOC_022739	XLOC_022739	RPS6	chr9:19376253-19380235	-0.009161	0.999791
XLOC_023065	XLOC_023065	DENND1A	chr9:126141932-126692417	-0.00912831	0.999791
XLOC_010810	XLOC_010810	CAPNS1	chr19:36630917-36641255	-0.00912719	0.999791
XLOC_022309	XLOC_022309	ACO1	chr9:32384600-32450832	-0.00909035	0.999791
XLOC_007897	XLOC_007897	PAQR4	chr16:3019341-3030540	-0.0090504	0.999791
XLOC_006451	XLOC_006451	EIF2B2	chr14:75469611-75476294	-0.00904874	0.999791
XLOC_006003	XLOC_006003	TMCO3	chr13:114145307-114204544	-0.0090128	0.999791
XLOC_018180	XLOC_018180	GTF2H4	chr6:30875976-30881880	-0.00900738	0.999791
XLOC_006361	XLOC_006361	SAMD4A	chr14:55034329-55260033	-0.00900427	0.999791
XLOC_009584	XLOC_009584	FLOT2	chr17:27206356-27224715	-0.0089921	0.999791
XLOC_007455	XLOC_007455	WHAMMP3	chr15:23187728-23208357	-0.00895103	1
XLOC_021006	XLOC_021006	RP9	chr7:33134409-33149002	-0.00893177	0.999791
XLOC_005569	XLOC_005569	TMBIM4	chr12:66530716-66563807	-0.00891398	0.999791
XLOC_003550	XLOC_003550	FEN1	chr11:61560108-61564714	-0.00888292	0.999791
XLOC_007155	XLOC_007155	DLL4	chr15:41221530-41231258	-0.00887862	0.999791
XLOC_002177	XLOC_002177	NSL1	chr1:212899494-212965139	-0.00884624	0.999791
XLOC_012906	XLOC_012906	FBXO11	chr2:48010220-48132932	-0.00876144	0.999791
XLOC_011970	XLOC_011970	UBE2S	chr19:55912649-55919325	-0.00874804	0.999791
XLOC_005801	XLOC_005801	MPHOSPH8	chr13:20207787-20247599	-0.00872841	0.999791
XLOC_014664	XLOC_014664	ATP6V1E1	chr22:18074902-18111588	-0.00872417	0.999791
XLOC_004705	XLOC_004705	NECAP1	chr12:8234806-8250373	-0.00871753	0.999791
XLOC_005887	XLOC_005887	MED4-AS1	chr13:48649863-48669277	-0.00870323	0.999791
XLOC_023467	XLOC_023467	ACRC	chrX:70430034-70948962	-0.00869107	1
XLOC_011617	XLOC_011617	POLR2I	chr19:36602104-36616849	-0.00865131	0.999791
XLOC_012868	XLOC_012868	HEATR5B	chr2:37208152-37311485	-0.00863078	0.999791
XLOC_023612	XLOC_023612	RBMX2	chrX:129535942-129547317	-0.00860337	0.999791
XLOC_015149	XLOC_015149	PRKCD	chr3:53195222-53226733	-0.00854901	0.999791
XLOC_016208	XLOC_016208	TADA2B	chr4:6911170-7059677	-0.0085418	0.999791
XLOC_002404	XLOC_002404	CCNY	chr10:35535952-35860847	-0.0085349	0.999791
XLOC_013153	XLOC_013153	FAM168B	chr2:131805448-131851004	-0.00848882	0.999791
XLOC_015971	XLOC_015971	CEP70	chr3:138213186-138313129	-0.0084856	0.999791
XLOC_008383	XLOC_008383	MTRNR2L4	chr16:3421052-3422283	-0.00844328	1
XLOC_016530	XLOC_016530	ARHGAP10	chr4:148653452-148993927	-0.00844057	0.999791
XLOC_002150	XLOC_002150	SLC41A1	chr1:205758220-205782161	-0.0084343	0.999791
XLOC_010662	XLOC_010662	FAM32A	chr19:16296234-16302857	-0.00835151	0.999791
XLOC_018512	XLOC_018512	TBPL1	chr6:134273307-134308638	-0.00831531	0.999791
XLOC_003801	XLOC_003801	ATM	chr11:108093558-108239826	-0.00830696	0.999791
XLOC_017537	XLOC_017537	BTNL9	chr5:180467224-180488523	-0.00830066	0.999791
XLOC_023059	XLOC_023059	RC3H2	chr9:125611731-125667562	-0.00829261	0.999791
XLOC_007904	XLOC_007904	IL32	chr16:3115312-3119668	-0.00822404	0.999791
XLOC_007913	XLOC_007913	ZNF174	chr16:3451189-3459364	-0.00819136	0.999791
XLOC_010896	XLOC_010896	TMEM145	chr19:42817476-42829214	-0.00817828	0.999791
XLOC_000041	XLOC_000041	ARHGEF16	chr1:3371146-3397677	-0.00816855	0.999791
XLOC_016038	XLOC_016038	KPNA4	chr3:160212782-160283376	-0.00815258	0.999791
XLOC_014141	XLOC_014141	PAXBP1-AS1	chr21:34100424-34144169	-0.00807644	1
XLOC_007784	XLOC_007784	VPS33B	chr15:91541773-91565833	-0.00801796	0.999791
XLOC_001081	XLOC_001081	ADCK3	chr1:227127937-227175246	-0.00799165	0.999791
XLOC_008716	XLOC_008716	ZCCHC14	chr16:87439851-87525460	-0.00798089	0.999791
XLOC_003179	XLOC_003179	METTL10	chr10:126447405-126480439	-0.00795317	0.999791
XLOC_006839	XLOC_006839	DHRS7	chr14:60611499-60632211	-0.00790798	0.999791
XLOC_013141	XLOC_013141	HS6ST1	chr2:129023053-129076171	-0.00788313	0.999791
XLOC_008095	XLOC_008095	CNEP1R1	chr16:50059188-50070999	-0.00785072	0.999791
XLOC_004713	XLOC_004713	PHC1	chr12:9067315-9102357	-0.00772672	0.999791
XLOC_000539	XLOC_000539	SLC30A7	chr1:101361631-101447311	-0.00770934	0.999791
XLOC_022322	XLOC_022322	NUDT2	chr9:34329503-34343711	-0.00767866	0.999791
XLOC_018487	XLOC_018487	TRMT11	chr6:126307575-126360420	-0.00761968	0.999791
XLOC_012940	XLOC_012940	PEL1I	chr2:64319785-64371605	-0.00757457	0.999791
XLOC_014452	XLOC_014452	BCR	chr22:23522551-23660224	-0.00755648	0.999791
XLOC_002026	XLOC_002026	LOC100506023	chr1:173204198-173446294	-0.00753613	1
XLOC_003334	XLOC_003334	USP47	chr11:11862969-11980872	-0.00752388	0.999791
XLOC_010165	XLOC_010165	RNF125	chr18:29598444-29653154	-0.00750379	0.999791
XLOC_016755	XLOC_016755	NOA1	chr4:57829515-57843826	-0.00749004	0.999791
XLOC_010831	XLOC_010831	KCNK6	chr19:38810483-38819649	-0.00747589	0.999791
XLOC_021677	XLOC_021677	ESRP1	chr8:95653363-95719694	-0.00745615	1
XLOC_016094	XLOC_016094	TMEM41A	chr3:185207388-185216845	-0.00742663	0.999791
XLOC_017244	XLOC_017244	CAST	chr5:95997740-96149848	-0.00737989	0.999791
XLOC_019111	XLOC_019111	NHSL1	chr6:138743180-138893668	-0.00737132	0.999791
XLOC_014352	XLOC_014352	U2AF1	chr21:44513065-44527688	-0.00735564	0.999791
XLOC_012482	XLOC_012482	MARCH7	chr2:160569009-160625084	-0.00730877	0.999791
XLOC_012154	XLOC_012154	EML4	chr2:42396489-42559688	-0.00728327	0.999791
XLOC_010464	XLOC_010464	DOT1L	chr19:2164147-2232577	-0.00722636	0.999791
XLOC_003178	XLOC_003178	FAM53B	chr10:126307862-126432930	-0.00711937	0.999791
XLOC_017598	XLOC_017598	GOLPH3	chr5:32124823-32174425	-0.00709857	0.999791
XLOC_004780	XLOC_004780	STK38L	chr12:27397077-27478890	-0.00706907	0.999791
XLOC_012932	XLOC_012932	XPO1	chr2:61705068-61765418	-0.00706477	0.999791
XLOC_004571	XLOC_004571	DPAGT1	chr11:118967212-118972785	-0.00703804	0.999791
XLOC_002253	XLOC_002253	TOMM20	chr1:235272657-235292256	-0.00698925	0.999791
XLOC_023749	XLOC_023749	PNPLA4	chrX:7866803-7895780	-0.00692442	0.999791

XLOC_012938	XLOC_012938	WDPCP	chr2:63348534-63834330	-0.00692417	0.999791
XLOC_005989	XLOC_005989	CARKD	chr13:111267806-111292342	-0.00686962	0.999791
XLOC_004553	XLOC_004553	TMPRSS13	chr11:117771355-117800168	-0.00684465	1
XLOC_002449	XLOC_002449	MAPK8	chr10:49609686-49643183	-0.00683979	0.999791
XLOC_002164	XLOC_002164	PLXNA2	chr1:208195587-208417665	-0.00670444	0.999791
XLOC_006860	XLOC_006860	ATP6V1D	chr14:67804580-67826720	-0.00661826	0.999791
XLOC_024191	XLOC_024191	DNASE1L1	chrX:153626570-153650063	-0.00660152	0.999791
XLOC_023017	XLOC_023017	ZFP37	chr9:115804173-115818996	-0.00657941	0.999791
XLOC_007178	XLOC_007178	CKMT1B	chr15:43663312-43910998	-0.00654428	0.999791
XLOC_021499	XLOC_021499	BMP1	chr8:22022652-22069840	-0.00653682	0.999791
XLOC_018001	XLOC_018001	RNF130	chr5:179382473-179499109	-0.00652194	0.999791
XLOC_015083	XLOC_015083	PTH1R	chr3:46919235-46945289	-0.00651127	0.999791
XLOC_011749	XLOC_011749	TRAPPC6A	chr19:45666185-45681501	-0.0064781	0.999791
XLOC_004965	XLOC_004965	RASSF3	chr12:65004292-65091347	-0.00643571	0.999791
XLOC_019001	XLOC_019001	GPR63	chr6:97241997-97285353	-0.00638736	0.999791
XLOC_010840	XLOC_010840	NFKBIB	chr19:39369194-39399534	-0.0063209	0.999791
XLOC_018202	XLOC_018202	CSNK2B	chr6:31629005-31637843	-0.00627999	0.999791
XLOC_010596	XLOC_010596	PRKCSH	chr19:11546268-11561782	-0.0062294	0.999791
XLOC_002118	XLOC_002118	KLHL12	chr1:202860229-202896371	-0.00620044	0.999791
XLOC_013417	XLOC_013417	LINC00471	chr2:232373136-232379050	-0.00617927	1
XLOC_005730	XLOC_005730	TAKO3	chr12:118587605-118810750	-0.00616196	0.999791
XLOC_013169	XLOC_013169	DARS	chr2:136664253-136743222	-0.00613497	0.999791
XLOC_017835	XLOC_017835	BRD8	chr5:137475458-137514358	-0.00597178	0.999791
XLOC_004739	XLOC_004739	DDX47	chr12:12966279-12982914	-0.00596243	0.999791
XLOC_018617	XLOC_018617	MGC39372	chr6:2854890-2876744	-0.00586454	0.999791
XLOC_005193	XLOC_005193	SFSWAP	chr12:132195631-132284283	-0.0058415	0.999791
XLOC_008524	XLOC_008524	ZNF689	chr16:30613878-30622096	-0.00580272	0.999791
XLOC_022909	XLOC_022909	ISCA1	chr9:88879462-88897490	-0.0058026	0.999791
XLOC_006230	XLOC_006230	ADPRHL1	chr13:114076259-114107839	-0.00579074	0.999791
XLOC_018676	XLOC_018676	HIST1H3B	chr6:26031816-26032288	-0.00573436	0.999791
XLOC_009018	XLOC_009018	MLLT6	chr17:36861872-36886056	-0.00568441	0.999791
XLOC_004691	XLOC_004691	C12orf57	chr12:7053202-7055165	-0.0056471	0.999791
XLOC_011956	XLOC_011956	PPP1R12C	chr19:55602280-55628968	-0.00564638	0.999791
XLOC_011601	XLOC_011601	DMKN	chr19:35988118-36004560	-0.00563447	0.999791
XLOC_007687	XLOC_007687	EDC3	chr15:74922898-74988386	-0.00559991	0.999791
XLOC_005685	XLOC_005685	ALKBH2	chr12:109525992-109531293	-0.0055687	0.999791
XLOC_018292	XLOC_018292	PRICKLE4	chr6:41748499-41755110	-0.00555159	0.999791
XLOC_007809	XLOC_007809	SNRNP25	chr16:103828-107669	-0.00552451	0.999791
XLOC_023619	XLOC_023619	PHF6	chrX:133507341-133562822	-0.0054992	0.999791
XLOC_005540	XLOC_005540	TMEM194A	chr12:57449425-57472574	-0.00548771	0.999791
XLOC_014736	XLOC_014736	TFIP11	chr22:26879849-26908437	-0.00546637	0.999791
XLOC_011941	XLOC_011941	MBOAT7	chr19:54677105-54693733	-0.0053773	0.999791
XLOC_001210	XLOC_001210	SLC35E2	chr1:1656276-1677438	-0.005352	0.999791
XLOC_007577	XLOC_007577	SPPL2A	chr15:50999736-51057910	-0.00534474	0.999791
XLOC_008608	XLOC_008608	CMTM4	chr16:66648652-66730610	-0.00531821	0.999791
XLOC_013720	XLOC_013720	BCAS4	chr20:49411466-49493714	-0.00530233	0.999791
XLOC_011655	XLOC_011655	SARS2	chr19:39405903-39423659	-0.00529637	0.999791
XLOC_007485	XLOC_007485	EMC7	chr15:34376223-34394053	-0.00525463	0.999791
XLOC_010495	XLOC_010495	EBI3	chr19:4229539-4237524	-0.00524996	0.999791
XLOC_017978	XLOC_017978	PDLIM7	chr5:176910394-176924602	-0.0051877	0.999791
XLOC_005766	XLOC_005766	ABC9B	chr12:123405497-123451056	-0.00518013	0.999791
XLOC_017259	XLOC_017259	WDR36	chr5:110427869-110466200	-0.00515772	0.999791
XLOC_014463	XLOC_014463	CABIN1	chr22:24407764-24574596	-0.00514501	0.999791
XLOC_016636	XLOC_016636	HAUS3_POLN	chr4:2073644-2243860	-0.00509388	0.999791
XLOC_006010	XLOC_006010	UPF3A	chr13:115047058-115071291	-0.00508296	0.999791
XLOC_022608	XLOC_022608	USP20	chr9:132597695-132644117	-0.00504508	0.999791
XLOC_012924	XLOC_012924	FANCL	chr2:58273776-58468515	-0.00500094	0.999791
XLOC_016770	XLOC_016770	YTHDC1	chr4:69176104-69215824	-0.00498083	0.999791
XLOC_023698	XLOC_023698	SSR4	chrX:153051220-153063967	-0.00491564	0.999791
XLOC_022029	XLOC_022029	ARFGEF1	chr8:68109883-68255912	-0.00484505	0.999791
XLOC_015053	XLOC_015053	SNRK	chr3:43328003-43393454	-0.00483496	0.999791
XLOC_015457	XLOC_015457	MFN1	chr3:179065479-179111008	-0.00481894	0.999791
XLOC_011545	XLOC_011545	TMEM161A	chr19:19230424-19249310	-0.00474768	0.999791
XLOC_022674	XLOC_022674	MAMDC4	chr9:139746818-139755251	-0.00468423	0.999791
XLOC_000567	XLOC_000567	GNAI3	chr1:110091185-110138454	-0.00463177	0.999791
XLOC_002724	XLOC_002724	BAG3	chr10:121410881-121437329	-0.00462361	0.999791
XLOC_012965	XLOC_012965	FAM136A	chr2:70523107-70529220	-0.0046218	0.999791
XLOC_004842	XLOC_004842	LARP4	chr12:50794591-50873788	-0.00459689	0.999791
XLOC_023163	XLOC_023163	DNLZ	chr9:139256351-139258263	-0.00457236	0.999791
XLOC_012992	XLOC_012992	CCDC142_MRPL53	chr2:74699084-74721691	-0.00454456	0.999791
XLOC_015562	XLOC_015562	RPUSD3	chr3:9879532-9885702	-0.00450909	0.999791
XLOC_003445	XLOC_003445	NDUFS3	chr11:47586981-47606115	-0.004501	0.999791
XLOC_000390	XLOC_000390	RNF11	chr1:51701944-51739119	-0.00449725	0.999791
XLOC_002658	XLOC_002658	HPS6	chr10:103825123-103827795	-0.00439409	0.999791
XLOC_003989	XLOC_003989	NUP98	chr11:3696239-3847601	-0.00437399	0.999791
XLOC_000523	XLOC_000523	PTBP2	chr1:97187174-97280605	-0.00435519	0.999791
XLOC_017803	XLOC_017803	GDF9	chr5:132196877-132200477	-0.00434738	1
XLOC_017793	XLOC_017793	FNIP1	chr5:130977406-131132756	-0.00433796	0.999791
XLOC_002597	XLOC_002597	EXOC6	chr10:94594469-94819251	-0.00433305	0.999791

XLOC_010146	XLOC_010146	CABLES1	chr18:20714527-20840434	-0.00431125	0.999791
XLOC_012508	XLOC_012508	GORASP2	chr2:171784947-171823643	-0.00430333	0.999791
XLOC_000010	XLOC_000010	AGRN	chr1:955502-991499	-0.00422337	0.999791
XLOC_004343	XLOC_004343	SLC29A2	chr1:66129991-66139291	-0.00409371	0.999791
XLOC_017039	XLOC_017039	FAT1	chr4:187508936-187644987	-0.00409218	0.999791
XLOC_016827	XLOC_016827	HPSE	chr4:84213613-84256306	-0.00409056	0.999791
XLOC_000825	XLOC_000825	FCER1G	chr1:161185086-161189038	-0.00408769	0.999791
XLOC_013431	XLOC_013431	MSL3P1	chr2:234774089-234777055	-0.00401076	0.999791
XLOC_018534	XLOC_018534	PHACTR2	chr6:143929316-144152322	-0.00387542	0.999791
XLOC_021508	XLOC_021508	RHOBTB2	chr8:22844929-22941132	-0.0038723	0.999791
XLOC_013948	XLOC_013948	RBM39	chr20:34291530-34330258	-0.00387021	0.999791
XLOC_021927	XLOC_021927	CLU	chr8:27454433-27472328	-0.00384689	0.999791
XLOC_015491	XLOC_015491	SENP2	chr3:185304030-185348885	-0.00381142	0.999791
XLOC_001603	XLOC_001603	ANKRD13C	chr1:70724684-70820417	-0.00378305	0.999791
XLOC_023297	XLOC_023297	PRDX4	chrX:23685644-23704514	-0.00369645	0.999791
XLOC_002832	XLOC_002832	FAM188A	chr10:15820174-15902519	-0.00368152	0.999791
XLOC_006969	XLOC_006969	SETD3	chr14:99864082-99947226	-0.00366888	0.999791
XLOC_021997	XLOC_021997	RPS20	chr8:56980738-56987140	-0.00364211	0.999791
XLOC_024061	XLOC_024061	THOC2	chrX:122734411-122866904	-0.00358638	0.999791
XLOC_006916	XLOC_006916	SNW1	chr14:78183943-78236085	-0.00357386	0.999791
XLOC_016263	XLOC_016263	PI4K2B	chr4:25235652-25280831	-0.00354469	0.999791
XLOC_005560	XLOC_005560	PPM1H	chr12:63037762-63328665	-0.00351529	0.999791
XLOC_004174	XLOC_004174	CELF1	chr11:47487488-47574792	-0.00350949	0.999791
XLOC_021661	XLOC_021661	WWP1	chr8:87354993-87480178	-0.0034598	0.999791
XLOC_011894	XLOC_011894	ETFB	chr19:51848408-51869672	-0.00344447	0.999791
XLOC_007149	XLOC_007149	RAD51	chr15:40987326-41024356	-0.00342717	0.999791
XLOC_016201	XLOC_016201	MAN2B2	chr4:6576901-6624188	-0.00342355	0.999791
XLOC_011252	XLOC_011252	TRIM28	chr19:59055835-59062082	-0.0033274	0.999791
XLOC_013743	XLOC_013743	NPEPL1,STX16	chr20:57226308-57290900	-0.0033164	0.999791
XLOC_012518	XLOC_012518	ZAK	chr2:173940564-174146764	-0.00328225	0.999791
XLOC_004927	XLOC_004927	NABP2	chr12:56618124-56623638	-0.00327234	0.999791
XLOC_009382	XLOC_009382	SMYD4	chr17:1682828-1733175	-0.00319676	0.999791
XLOC_001235	XLOC_001235	CHD5	chr1:6161846-6240194	-0.00314608	1
XLOC_004076	XLOC_004076	ZBED5	chr11:10874250-10879620	-0.00313271	0.999791
XLOC_015297	XLOC_015297	LOC100129550	chr3:122605359-122611263	-0.00312604	0.999791
XLOC_006386	XLOC_006386	SLC38A6	chr14:61447831-61550451	-0.00312017	0.999791
XLOC_009790	XLOC_009790	ARHGAP27	chr17:43471267-43503012	-0.00307668	0.999791
XLOC_006276	XLOC_006276	MRPL52	chr14:23299091-23304246	-0.00306193	0.999791
XLOC_002855	XLOC_002855	ABI1	chr10:26986594-27150016	-0.00303306	0.999791
XLOC_011737	XLOC_011737	ZNF45	chr19:44416775-44439411	-0.00302201	0.999791
XLOC_010936	XLOC_010936	CLASRP	chr19:45542297-45574214	-0.00300577	0.999791
XLOC_003967	XLOC_003967	MRPL23-AS1	chr11:2004438-2011150	-0.00293306	1
XLOC_014778	XLOC_014778	PISD	chr22:31892124-32026810	-0.00286595	0.999791
XLOC_012635	XLOC_012635	IGFBP2	chr2:217498126-217529158	-0.00285634	0.999791
XLOC_024041	XLOC_024041	NKAP	chrX:119059012-11907735	-0.00284623	0.999791
XLOC_001768	XLOC_001768	POLR3C	chr1:145592604-145610884	-0.00281277	0.999791
XLOC_002104	XLOC_002104	TMEM9	chr1:201103899-201123632	-0.00280757	0.999791
XLOC_009968	XLOC_009968	SLC25A19	chr17:73267379-73285530	-0.00280371	0.999791
XLOC_017173	XLOC_017173	LOC441081	chr5:69776869-69881549	-0.00277863	1
XLOC_018689	XLOC_018689	HIST1H4H	chr6:26285353-26285727	-0.00276751	0.999791
XLOC_008901	XLOC_008901	TRIM16L	chr17:18625401-18639431	-0.00276137	0.999791
XLOC_003968	XLOC_003968	H19,MIR675	chr11:2016405-2019065	-0.002753	0.999791
XLOC_012168	XLOC_012168	CRIP1	chr2:46844324-46852881	-0.00270233	0.999791
XLOC_015146	XLOC_015146	SPCS1	chr3:52719935-52742197	-0.00268829	0.999791
XLOC_005866	XLOC_005866	NAA16	chr13:41885340-41951166	-0.00264663	0.999791
XLOC_018765	XLOC_018765	ABHD16A	chr6:31654725-31671137	-0.00263232	0.999791
XLOC_012047	XLOC_012047	RRM2	chr2:10262694-10271546	-0.00261013	0.999791
XLOC_001801	XLOC_001801	ENSA	chr11:150594598-150602098	-0.00257443	0.999791
XLOC_018603	XLOC_018603	C6orf120	chr6:170102256-170124106	-0.00255242	0.999791
XLOC_001553	XLOC_001553	C1orf123	chr1:53662100-53686289	-0.00254237	0.999791
XLOC_023451	XLOC_023451	IGBP1	chrX:69353317-69386173	-0.00249125	0.999791
XLOC_008188	XLOC_008188	PSKH1	chr16:67927174-67965778	-0.00247726	0.999791
XLOC_022017	XLOC_022017	ARMC1	chr8:66514690-66546452	-0.00247062	0.999791
XLOC_003081	XLOC_003081	PYROXD2	chr10:100143321-100174978	-0.00243589	1
XLOC_008557	XLOC_008557	C16orf87	chr16:46835958-46865074	-0.00242336	0.999791
XLOC_005250	XLOC_005250	MLF2	chr12:6857157-6862636	-0.00240548	0.999791
XLOC_023587	XLOC_023587	PGRMC1	chrX:118370210-118378429	-0.00240488	0.999791
XLOC_000430	XLOC_000430	ALG6	chr1:63833260-63904233	-0.00239475	0.999791
XLOC_006074	XLOC_006074	SMAD9	chr13:37418967-37494409	-0.00235618	0.999791
XLOC_007757	XLOC_007757	SEC11A	chr15:85212767-85259691	-0.00234842	0.999791
XLOC_021485	XLOC_021485	NAT1	chr8:18027970-18081198	-0.00222304	0.999791
XLOC_012445	XLOC_012445	MGAT5	chr2:135011829-135212192	-0.00215501	0.999791
XLOC_018745	XLOC_018745	FLOT1	chr6:30695510-30710453	-0.00214695	0.999791
XLOC_021703	XLOC_021703	ATP6V1C1	chr8:104033247-104085285	-0.00213443	0.999791
XLOC_002979	XLOC_002979	PCBD1	chr10:72643266-72648541	-0.0021299	0.999791
XLOC_002422	XLOC_002422	ZNF32-AS1	chr10:44124264-44170147	-0.00212176	0.999791
XLOC_001884	XLOC_001884	MUC1	chr1:155158299-155162706	-0.00208789	0.999791
XLOC_011033	XLOC_011033	SCAF1	chr19:50145381-50161906	-0.00207061	0.999791
XLOC_017587	XLOC_017587	FAM134B	chr5:16473146-16617167	-0.00205908	0.999791

XLOC_003957	XLOC_003957	MOB2	chr11:1490684-1785501	-0.0020456	0.999791
XLOC_018752	XLOC_018752	POU5F1	chr6:31132113-31138451	-0.00204477	1
XLOC_010346	XLOC_010346	ATP5A1	chr18:43664109-43684199	-0.00203971	0.999791
XLOC_022253	XLOC_022253	COMMD5	chr8:146075550-146078932	-0.00203781	0.999791
XLOC_006124	XLOC_006124	EBPL	chr13:50234809-50265623	-0.00198699	0.999791
XLOC_014194	XLOC_014194	PKNOX1	chr21:44394642-44453688	-0.00196438	0.999791
XLOC_006513	XLOC_006513	GLRX5	chr14:96001322-96011055	-0.00189779	0.999791
XLOC_018039	XLOC_018039	RIOK1	chr6:7390061-7418270	-0.00186126	0.999791
XLOC_023631	XLOC_023631	SLC9A6	chrX:135067582-135129428	-0.00183654	0.999791
XLOC_008035	XLOC_008035	KIF22	chr16:29802033-29816706	-0.00183401	0.999791
XLOC_021573	XLOC_021573	VDAC3	chr8:42249278-42263455	-0.00175644	0.999791
XLOC_018923	XLOC_018923	TRAM2	chr6:52362199-52441862	-0.00174191	0.999791
XLOC_005645	XLOC_005645	IKBIP	chr12:99007181-99038829	-0.00167046	0.999791
XLOC_016406	XLOC_016406	ENOPH1	chr4:83351725-83382244	-0.00166251	0.999791
XLOC_003431	XLOC_003431	DGKZ	chr1:46354454-46402104	-0.00164324	0.999791
XLOC_001510	XLOC_001510	EIF2B3	chr1:45316193-45452394	-0.00159581	0.999791
XLOC_018380	XLOC_018380	MTO1	chr6:74171453-74211179	-0.00159487	0.999791
XLOC_000662	XLOC_000662	FAM91A2,LINC00623	chr1:149576261-149672733	-0.00156629	0.999791
XLOC_022961	XLOC_022961	ZNF510	chr9:99518146-99540328	-0.00156338	0.999791
XLOC_002721	XLOC_002721	FAM45A	chr10:120863610-120897376	-0.00156006	0.999791
XLOC_008918	XLOC_008918	DHRS7B	chr17:21030240-21095285	-0.00150579	0.999791
XLOC_008652	XLOC_008652	LOC100506083	chr16:70323669-70380650	-0.00148605	1
XLOC_009156	XLOC_009156	KAT7	chr17:47865980-47906458	-0.00148586	0.999791
XLOC_011433	XLOC_011433	TMEM205	chr19:11453451-11456981	-0.00148392	0.999791
XLOC_022375	XLOC_022375	PTGER4P2-CDK2AP2P2	chr9:66494268-66503030	-0.00146617	1
XLOC_000428	XLOC_000428	ATG4C	chr1:63249776-63330941	-0.00146405	0.999791
XLOC_008416	XLOC_008416	DEXI	chr16:11022747-11036257	-0.00143494	0.999791
XLOC_012638	XLOC_012638	ARPC2	chr2:219081873-219119071	-0.00141716	0.999791
XLOC_012726	XLOC_012726	COPS8	chr2:237994083-238007489	-0.00140447	0.999791
XLOC_012731	XLOC_012731	RAMP1	chr2:238768186-238820755	-0.00139782	0.999791
XLOC_008541	XLOC_008541	C16orf58	chr16:31494438-31519706	-0.00138662	0.999791
XLOC_008022	XLOC_008022	ATP2A1	chr16:28889808-28936532	-0.00135147	0.999791
XLOC_005861	XLOC_005861	NHLRC3	chr13:39612447-39624244	-0.00134898	0.999791
XLOC_017847	XLOC_017847	SPATA24	chr5:138732455-138739776	-0.00133625	0.999791
XLOC_017521	XLOC_017521	RMND5B	chr5:177558027-17755479	-0.00128274	0.999791
XLOC_013854	XLOC_013854	TMX4	chr20:7961715-8000393	-0.00127989	0.999791
XLOC_014776	XLOC_014776	PATZ1	chr22:31721789-31742249	-0.00122256	0.999791
XLOC_014294	XLOC_014294	MIS18A	chr21:33640529-33651376	-0.00118847	0.999791
XLOC_003390	XLOC_003390	TCP11L1	chr1:33060962-33095109	-0.00115819	0.999791
XLOC_023815	XLOC_023815	CXorf38	chrX:40486172-40506819	-0.00112362	0.999791
XLOC_012408	XLOC_012408	PTPN4	chr2:120517206-120742474	-0.00104044	0.999791
XLOC_005481	XLOC_005481	KRT8	chr12:53290970-53346685	-0.00102936	0.999791
XLOC_006494	XLOC_006494	RIN3	chr14:92980124-93155334	-0.00100196	0.999791
XLOC_015312	XLOC_015312	PLXNA1	chr3:126707436-126756235	-0.000978561	0.999791
XLOC_004249	XLOC_004249	CPSF7	chr1:61170119-61197464	-0.00094691	0.999791
XLOC_006701	XLOC_006701	RAB2B	chr14:21927178-21945132	-0.000907384	0.999791
XLOC_007666	XLOC_007666	THAP10	chr15:71173680-71184772	-0.000907284	0.999791
XLOC_012227	XLOC_012227	PCBP1	chr2:70314584-70316334	-0.000878515	0.999791
XLOC_003592	XLOC_003592	PRDX5	chr11:64085559-64089295	-0.000873212	0.999791
XLOC_018504	XLOC_018504	RPS12	chr6:133135707-133138703	-0.000780079	0.999791
XLOC_012809	XLOC_012809	PUM2	chr2:20448452-20527144	-0.000718351	0.999791
XLOC_002527	XLOC_002527	VDAC2	chr10:76969911-76991207	-0.000694783	0.999791
XLOC_010636	XLOC_010636	LOC100507373	chr19:14247963-14316997	-0.000682205	0.999791
XLOC_013708	XLOC_013708	ZFAS1	chr20:47862438-47905795	-0.000645154	0.999791
XLOC_013745	XLOC_013745	NELFCD	chr20:57556262-57570188	-0.000644661	0.999791
XLOC_020520	XLOC_020520	CRCP	chr7:65579804-65619553	-0.000612156	0.999791
XLOC_012849	XLOC_012849	SUPT7L	chr2:27848505-27917847	-0.00060722	0.999791
XLOC_023991	XLOC_023991	TCEAL8	chrX:102507922-102510121	-0.000568365	0.999791
XLOC_007251	XLOC_007251	PLEKHO2	chr15:65134081-65160201	-0.000551786	0.999791
XLOC_018285	XLOC_018285	NFYA	chr6:41040706-41108573	-0.000488552	0.999791
XLOC_017166	XLOC_017166	RAD17	chr5:68647552-68710630	-0.000488418	0.999791
XLOC_009245	XLOC_009245	BPTF	chr17:65821779-65980494	-0.000486573	0.999791
XLOC_017411	XLOC_017411	FBXO38	chr5:147763497-147822399	-0.000466049	0.999791
XLOC_018336	XLOC_018336	CD2AP	chr6:47445524-47594996	-0.00041905	0.999791
XLOC_020564	XLOC_020564	POR	chr7:75544419-75623992	-0.000331709	0.999791
XLOC_012225	XLOC_012225	SNRNP27	chr2:70121074-70132368	-0.000319497	0.999791
XLOC_005908	XLOC_005908	ALG11,UTP14C	chr13:52586522-52607736	-0.000229176	0.999791
XLOC_008249	XLOC_008249	CMIP	chr16:81478774-81745367	-0.000145677	0.999803
XLOC_003871	XLOC_003871	ARHGEF12	chr11:120207617-120360645	-0.000143359	0.999803
XLOC_005963	XLOC_005963	IPO5	chr13:98605928-98676550	-0.000134918	0.999803
XLOC_001632	XLOC_001632	DDAH1	chr1:85784167-86044046	-0.000112196	0.999791
XLOC_000861	XLOC_000861	TIPRL	chr1:168148170-168171351	-0.000110743	0.999869
XLOC_014866	XLOC_014866	CYB5R3	chr22:43013845-43045405	-9.41E-05	0.999803
XLOC_006958	XLOC_006958	DICER1	chr14:95552564-95623759	-4.15E-05	0.99995
XLOC_010918	XLOC_010918	ZNF226	chr19:446669214-44681838	-3.08E-05	0.999934
XLOC_010756	XLOC_010756	GPATCH1	chr19:33571785-33621318	-1.46E-05	0.999791
XLOC_016141	XLOC_016141	PCYT1A	chr3:195965252-196014584	-2.79E-06	0.999791
XLOC_000002	XLOC_000002	OR4F5	chr1:69090-70008	0	1
XLOC_000004	XLOC_000004	OR4F3	chr1:367658-368597	0	1

XLOC_000011	XLOC_000011	LOC254099	chr1:1072396-1079434	0	1
XLOC_000012	XLOC_000012	MIR200B	chr1:1102483-1102578	0	1
XLOC_000013	XLOC_000013	MIR200A	chr1:1103242-1103332	0	1
XLOC_000014	XLOC_000014	MIR429	chr1:1104384-1104467	0	1
XLOC_000015	XLOC_000015	TTL10	chr1:1109285-1133313	0	1
XLOC_000022	XLOC_000022	TMEM88B	chr1:1361507-1363167	0	1
XLOC_000029	XLOC_000029	MMP23A	chr1:1571099-1655791	0	1
XLOC_000031	XLOC_000031	GABRD	chr1:1950767-1962192	0	1
XLOC_000038	XLOC_000038	ACTRT2	chr1:2938045-2939467	0	1
XLOC_000040	XLOC_000040	MIR4251	chr1:2985741-3355185	0	1
XLOC_000044	XLOC_000044	CCDC27	chr1:3668964-3688209	0	1
XLOC_000048	XLOC_000048	LOC728716	chr1:4000671-4012643	0	1
XLOC_000049	XLOC_000049	LOC284661	chr1:4472110-4484744	0	1
XLOC_000050	XLOC_000050	AJAP1	chr1:4715104-4843851	0	1
XLOC_000051	XLOC_000051	MIR4417	chr1:5624130-5624203	0	1
XLOC_000054	XLOC_000054	HES3	chr1:6304251-6305638	0	1
XLOC_000066	XLOC_000066	CA6	chr1:9005892-9035148	0	1
XLOC_000080	XLOC_000080	MTOR-AS1	chr1:11166587-11322608	0	1
XLOC_000081	XLOC_000081	ANGPTL7	chr1:11166587-11322608	0	1
XLOC_000083	XLOC_000083	PTCHD2	chr1:11539294-11597640	0	1
XLOC_000086	XLOC_000086	DRAXIN	chr1:11751780-11780336	0	1
XLOC_000095	XLOC_000095	SNORA59A	chr1:12290112-12572098	0	1
XLOC_000096	XLOC_000096	AADACL4	chr1:12704565-12727097	0	1
XLOC_000097	XLOC_000097	AADACL3	chr1:12776117-12788726	0	1
XLOC_000098	XLOC_000098	C1orf158	chr1:12806162-12821102	0	1
XLOC_000099	XLOC_000099	PRAMEF12	chr1:12834983-12838048	0	1
XLOC_000100	XLOC_000100	PRAMEF1	chr1:12851545-12856777	0	1
XLOC_000101	XLOC_000101	PRAMEF2	chr1:12916940-12921764	0	1
XLOC_000102	XLOC_000102	PRAMEF7,PRAMEF8	chr1:12976449-12980568	0	1
XLOC_000103	XLOC_000103	PRAMEF22	chr1:13035542-13038381	0	1
XLOC_000104	XLOC_000104	PRAMEF5	chr1:13359818-13369057	0	1
XLOC_000105	XLOC_000105	PRAMEF9	chr1:13421175-13428191	0	1
XLOC_000106	XLOC_000106	PRAMEF16	chr1:13495253-13498259	0	1
XLOC_000107	XLOC_000107	PRAMEF20,PRAMEF21	chr1:13516065-13526943	0	1
XLOC_000108	XLOC_000108	PRAMEF9	chr1:13641972-13648988	0	1
XLOC_000109	XLOC_000109	PRAMEF17	chr1:13716087-13719064	0	1
XLOC_000110	XLOC_000110	PRAMEF20,PRAMEF21	chr1:13736906-13747803	0	1
XLOC_000111	XLOC_000111	PDPN	chr1:13910251-13944452	0	1
XLOC_000118	XLOC_000118	CELA2A	chr1:15783222-15798586	0	1
XLOC_000119	XLOC_000119	CELA2B	chr1:15802595-15817895	0	1
XLOC_000124	XLOC_000124	TMEM82	chr1:16068986-16074292	0	1
XLOC_000127	XLOC_000127	C1orf64	chr1:16330730-16333184	0	1
XLOC_000129	XLOC_000129	CLCNKB	chr1:16370230-16383821	0	1
XLOC_000132	XLOC_000132	MIR3675	chr1:16875408-16875482	0	1
XLOC_000134	XLOC_000134	MIR3675	chr1:17007749-17007823	0	1
XLOC_000139	XLOC_000139	PADI6	chr1:17698740-17728195	0	1
XLOC_000142	XLOC_000142	IGSF21	chr1:18434239-18704977	0	1
XLOC_000143	XLOC_000143	KLHDC7A	chr1:18807423-18812480	0	1
XLOC_000144	XLOC_000144	PAX7	chr1:18957499-19075360	0	1
XLOC_000148	XLOC_000148	HTR6	chr1:19991779-20006055	0	1
XLOC_000150	XLOC_000150	PLA2G5	chr1:20396700-20418394	0	1
XLOC_000151	XLOC_000151	PLA2G2F	chr1:20465822-20476879	0	1
XLOC_000152	XLOC_000152	UBXN10	chr1:20512577-20519942	0	1
XLOC_000154	XLOC_000154	FAM43B	chr1:20878931-20881513	0	1
XLOC_000161	XLOC_000161	CELA3B	chr1:22303417-22315847	0	1
XLOC_000162	XLOC_000162	CELA3A	chr1:22328148-22339035	0	1
XLOC_000167	XLOC_000167	C1QA	chr1:22963117-22966175	0	1
XLOC_000168	XLOC_000168	C1QC	chr1:22970117-22974603	0	1
XLOC_000169	XLOC_000169	C1QB	chr1:22979681-22988029	0	1
XLOC_000171	XLOC_000171	MIR4684	chr1:23037330-23241823	0	1
XLOC_000173	XLOC_000173	MIR3115	chr1:23345940-23410184	0	1
XLOC_000180	XLOC_000180	MIR378F	chr1:24255559-24255637	0	1
XLOC_000182	XLOC_000182	LOC284632	chr1:24526729-24538180	0	1
XLOC_000201	XLOC_000201	CATSPER4	chr1:26517118-26529033	0	1
XLOC_000209	XLOC_000209	MIR1976	chr1:26856248-26901520	0	1
XLOC_000234	XLOC_000234	RAB42	chr1:28918711-28921088	0	1
XLOC_000238	XLOC_000238	OPRD1	chr1:29138653-29190208	0	1
XLOC_000244	XLOC_000244	LOC149086	chr1:31971838-31974167	0	1
XLOC_000245	XLOC_000245	LOC284551	chr1:31984035-31989846	0	1
XLOC_000257	XLOC_000257	LCK	chr1:32716839-32751766	0	1
XLOC_000260	XLOC_000260	ZBTB8B	chr1:32930657-32953459	0	1
XLOC_000269	XLOC_000269	HMGB4	chr1:33979608-34631443	0	1
XLOC_000270	XLOC_000270	LOC402779	chr1:33979608-34631443	0	1
XLOC_000271	XLOC_000271	C1orf94	chr1:34632623-34684731	0	1
XLOC_000273	XLOC_000273	GJB4	chr1:35225341-35229325	0	1
XLOC_000275	XLOC_000275	GJA4	chr1:35258598-35261348	0	1
XLOC_000288	XLOC_000288	MIR4255	chr1:37627163-37627235	0	1
XLOC_000295	XLOC_000295	MIR3659	chr1:38554902-38555001	0	1
XLOC_000313	XLOC_000313	MIR30E	chr1:41154751-41237275	0	1

XLOC_000314	XLOC_000314	MIR30C1	chr1:41154751-41237275	0	1
XLOC_000318	XLOC_000318	GUCA2B	chr1:42619091-42621495	0	1
XLOC_000329	XLOC_000329	FAM183A	chr1:43613593-43622067	0	1
XLOC_000331	XLOC_000331	TMEM125	chr1:43735664-43739673	0	1
XLOC_000345	XLOC_000345	KLF17	chr1:44584521-44600809	0	1
XLOC_000348	XLOC_000348	MIR5584	chr1:44870959-45117396	0	1
XLOC_000354	XLOC_000354	SNORD38A	chr1:45241245-45244412	0	1
XLOC_000355	XLOC_000355	SNORD38B	chr1:45241245-45244412	0	1
XLOC_000377	XLOC_000377	EFCAB14-AS1	chr1:47139707-47184736	0	1
XLOC_000378	XLOC_000378	CYP4B1	chr1:47264669-47285021	0	1
XLOC_000379	XLOC_000379	CYP4X1	chr1:47489239-47516423	0	1
XLOC_000380	XLOC_000380	CYP4Z1	chr1:47533159-47583992	0	1
XLOC_000381	XLOC_000381	CYP4A22	chr1:47603106-47614526	0	1
XLOC_000386	XLOC_000386	SLC5A9	chr1:48688356-48714316	0	1
XLOC_000387	XLOC_000387	ELAVL4	chr1:50513685-50667540	0	1
XLOC_000389	XLOC_000389	C1orf185	chr1:51567905-51613754	0	1
XLOC_000400	XLOC_000400	PODN	chr1:53527723-53551174	0	1
XLOC_000403	XLOC_000403	DMRTB1	chr1:53925071-53933158	0	1
XLOC_000407	XLOC_000407	MIR47B1	chr1:54519273-54565416	0	1
XLOC_000411	XLOC_000411	C1orf177	chr1:55271735-55307937	0	1
XLOC_000416	XLOC_000416	MIR4422	chr1:55691313-55691396	0	1
XLOC_000418	XLOC_000418	C8A	chr1:57320442-57383894	0	1
XLOC_000423	XLOC_000423	MGC34796	chr1:62119913-62121800	0	1
XLOC_000435	XLOC_000435	UBE2U	chr1:64669489-64710027	0	1
XLOC_000437	XLOC_000437	MIR4794	chr1:64936475-65158741	0	1
XLOC_000444	XLOC_000444	MIR3117	chr1:66999824-67210768	0	1
XLOC_000445	XLOC_000445	TCTEX1D1	chr1:67218139-67244730	0	1
XLOC_000452	XLOC_000452	PIN1P1	chr1:70225857-70589171	0	1
XLOC_000460	XLOC_000460	LHX8	chr1:75594118-75627218	0	1
XLOC_000463	XLOC_000463	SNORD45C	chr1:76251878-76260775	0	1
XLOC_000464	XLOC_000464	SNORD45A	chr1:76251878-76260775	0	1
XLOC_000465	XLOC_000465	SNORD45B	chr1:76251878-76260775	0	1
XLOC_000468	XLOC_000468	ST6GALNAC5	chr1:77333185-77529737	0	1
XLOC_000469	XLOC_000469	AK5	chr1:77747661-78025654	0	1
XLOC_000474	XLOC_000474	MGC27382	chr1:78695282-78835147	0	1
XLOC_000475	XLOC_000475	PTGFR	chr1:78956727-79006386	0	1
XLOC_000476	XLOC_000476	IFI44L	chr1:79086087-79111830	0	1
XLOC_000478	XLOC_000478	LPHN2	chr1:82266081-82458107	0	1
XLOC_000479	XLOC_000479	PRKACB	chr1:84543744-84704181	0	1
XLOC_000484	XLOC_000484	MIR4423	chr1:85599476-85599566	0	1
XLOC_000489	XLOC_000489	CLCA4	chr1:87012758-87046432	0	1
XLOC_000490	XLOC_000490	CLCA3P	chr1:87099958-87121059	0	1
XLOC_000496	XLOC_000496	GBP6	chr1:89829435-89853719	0	1
XLOC_000497	XLOC_000497	GBP1P1	chr1:89873237-89890493	0	1
XLOC_000503	XLOC_000503	BRDT	chr1:92414927-92479985	0	1
XLOC_000507	XLOC_000507	C1orf146	chr1:92683572-92711367	0	1
XLOC_000511	XLOC_000511	SNORA66	chr1:93297593-93427079	0	1
XLOC_000517	XLOC_000517	MIR760	chr1:94027342-94312706	0	1
XLOC_000524	XLOC_000524	DPYD-AS1	chr1:97543299-98386615	0	1
XLOC_000525	XLOC_000525	LOC729987	chr1:98676266-98738214	0	1
XLOC_000527	XLOC_000527	LOC100129620	chr1:99355800-99614408	0	1
XLOC_000528	XLOC_000528	LPPR4	chr1:99729847-99775138	0	1
XLOC_000529	XLOC_000529	PALMD	chr1:100111430-100231349	0	1
XLOC_000535	XLOC_000535	MIR553	chr1:100731713-100758325	0	1
XLOC_000537	XLOC_000537	GPR88	chr1:101003727-101007583	0	1
XLOC_000538	XLOC_000538	VCAM1	chr1:101185195-101204601	0	1
XLOC_000540	XLOC_000540	S1PR1	chr1:101702304-101707076	0	1
XLOC_000541	XLOC_000541	DNAJA1P5	chr1:102268126-102462790	0	1
XLOC_000544	XLOC_000544	AMY2A	chr1:104159998-104168400	0	1
XLOC_000545	XLOC_000545	AMY1A	chr1:104198140-104207173	0	1
XLOC_000546	XLOC_000546	AMY1A	chr1:104292278-104301311	0	1
XLOC_000549	XLOC_000549	NTNG1	chr1:107682628-108024475	0	1
XLOC_000550	XLOC_000550	VAV3-AS1	chr1:108113781-108537229	0	1
XLOC_000551	XLOC_000551	NBPF6	chr1:108992903-109013260	0	1
XLOC_000568	XLOC_000568	MIR197	chr1:110141514-110141589	0	1
XLOC_000582	XLOC_000582	CYMP	chr1:111023387-111033891	0	1
XLOC_000583	XLOC_000583	CD53	chr1:111413820-111442558	0	1
XLOC_000585	XLOC_000585	CHI3L2	chr1:111770280-111786062	0	1
XLOC_000587	XLOC_000587	CHIA	chr1:111833473-111863188	0	1
XLOC_000588	XLOC_000588	PIFO	chr1:111889194-111895639	0	1
XLOC_000607	XLOC_000607	SYCP1	chr1:115397454-115537990	0	1
XLOC_000608	XLOC_000608	TSHB	chr1:115572414-115576941	0	1
XLOC_000613	XLOC_000613	MIR320B1	chr1:117214370-117214449	0	1
XLOC_000614	XLOC_000614	CD2	chr1:117297085-117311851	0	1
XLOC_000618	XLOC_000618	MIR942	chr1:117602948-117645491	0	1
XLOC_000622	XLOC_000622	HAQ2	chr1:119911401-119936751	0	1
XLOC_000624	XLOC_000624	HSD3B1	chr1:120049825-120057681	0	1
XLOC_000628	XLOC_000628	HIST2H2BA	chr1:120906033-120914842	0	1
XLOC_000630	XLOC_000630	EMBP1	chr1:121260909-121313686	0	1

XLOC_000647	XLOC_000647	GPR89C	chr1:145883867-145924049	0	1
XLOC_000652	XLOC_000652	GJA8	chr1:147374945-147381395	0	1
XLOC_000655	XLOC_000655	PPIAL4E	chr1:148644010-148644795	0	1
XLOC_000657	XLOC_000657	PPIAL4D	chr1:148806014-148806799	0	1
XLOC_000660	XLOC_000660	FCGR1C	chr1:149369293-149378297	0	1
XLOC_000661	XLOC_000661	PPIAL4B	chr1:149553002-149553787	0	1
XLOC_000663	XLOC_000663	FCGR1A	chr1:149754244-149783928	0	1
XLOC_000664	XLOC_000664	HIST2H4B	chr1:149804220-149804616	0	1
XLOC_000665	XLOC_000665	HIST2H2AA3	chr1:149822627-149823161	0	1
XLOC_000666	XLOC_000666	HIST2H3C	chr1:149824180-149824687	0	1
XLOC_000681	XLOC_000681	MIR4257	chr1:150521897-150533412	0	1
XLOC_000696	XLOC_000696	MIR554	chr1:151512780-151556059	0	1
XLOC_000698	XLOC_000698	RIAD1	chr1:151694012-151702082	0	1
XLOC_000700	XLOC_000700	LOC100132111	chr1:151810338-151816641	0	1
XLOC_000701	XLOC_000701	LCE5A	chr1:152483319-152484653	0	1
XLOC_000702	XLOC_000702	CRCT1	chr1:152486977-152488481	0	1
XLOC_000703	XLOC_000703	LCE3C	chr1:152573137-152573562	0	1
XLOC_000704	XLOC_000704	LCE3B	chr1:152586286-152586574	0	1
XLOC_000705	XLOC_000705	LCE2D	chr1:152635886-152637135	0	1
XLOC_000706	XLOC_000706	LCE2C	chr1:152647790-152649049	0	1
XLOC_000707	XLOC_000707	LCE2B	chr1:152658598-152659876	0	1
XLOC_000708	XLOC_000708	LCE2A	chr1:152670839-152671918	0	1
XLOC_000709	XLOC_000709	LCE4A	chr1:152681522-152681910	0	1
XLOC_000710	XLOC_000710	C1orf68	chr1:152691997-152692905	0	1
XLOC_000711	XLOC_000711	KPRP	chr1:152730505-152734529	0	1
XLOC_000716	XLOC_000716	LCE1A	chr1:152799948-152800573	0	1
XLOC_000717	XLOC_000717	LCE6A	chr1:152815329-152816459	0	1
XLOC_000718	XLOC_000718	SMCP	chr1:152850797-152857523	0	1
XLOC_000719	XLOC_000719	IVL	chr1:152881038-152884362	0	1
XLOC_000720	XLOC_000720	SPRR4	chr1:152943127-152945069	0	1
XLOC_000721	XLOC_000721	SPRR1A	chr1:152956563-152958290	0	1
XLOC_000722	XLOC_000722	SPRR3	chr1:152974222-152976332	0	1
XLOC_000723	XLOC_000723	SPRR1B	chr1:153003678-153005376	0	1
XLOC_000724	XLOC_000724	LELP1	chr1:153175905-153177601	0	1
XLOC_000726	XLOC_000726	LOR	chr1:153232178-153234600	0	1
XLOC_000727	XLOC_000727	S100A9	chr1:153330329-153333503	0	1
XLOC_000728	XLOC_000728	S100A7A	chr1:153388999-153395701	0	1
XLOC_000739	XLOC_000739	AQP10	chr1:154293591-154297801	0	1
XLOC_000745	XLOC_000745	MIR4258	chr1:154947117-154951725	0	1
XLOC_000756	XLOC_000756	MIR92B	chr1:155164967-155165063	0	1
XLOC_000777	XLOC_000777	TTC24	chr1:156549518-156556562	0	1
XLOC_000786	XLOC_000786	CYCSP52	chr1:157094458-157108383	0	1
XLOC_000788	XLOC_000788	CD1D	chr1:158149736-158156216	0	1
XLOC_000789	XLOC_000789	CD1A	chr1:158223926-158228058	0	1
XLOC_000790	XLOC_000790	CD1C	chr1:158259562-158264564	0	1
XLOC_000791	XLOC_000791	CD1E	chr1:158323485-158327343	0	1
XLOC_000792	XLOC_000792	OR10K1	chr1:158435351-158436293	0	1
XLOC_000793	XLOC_000793	OR10R2	chr1:158449667-158450675	0	1
XLOC_000794	XLOC_000794	OR10Z1	chr1:158576228-158577170	0	1
XLOC_000795	XLOC_000795	OR6K6	chr1:158724605-158725637	0	1
XLOC_000796	XLOC_000796	MNDA	chr1:158801167-158819270	0	1
XLOC_000797	XLOC_000797	PYHIN1	chr1:158901336-158946849	0	1
XLOC_000799	XLOC_000799	CADM3	chr1:159141376-159172932	0	1
XLOC_000800	XLOC_000800	DARC	chr1:159173802-159176290	0	1
XLOC_000801	XLOC_000801	FCER1A	chr1:159259503-159278014	0	1
XLOC_000802	XLOC_000802	OR10J1	chr1:159409511-159410600	0	1
XLOC_000803	XLOC_000803	APCS	chr1:159557615-159558661	0	1
XLOC_000805	XLOC_000805	FCRL6	chr1:159772172-159786047	0	1
XLOC_000807	XLOC_000807	LOC100505633	chr1:159931013-159948876	0	1
XLOC_000809	XLOC_000809	ATP1A2	chr1:160085519-160113374	0	1
XLOC_000810	XLOC_000810	ATP1A4	chr1:160121351-160156767	0	1
XLOC_000818	XLOC_000818	LY9	chr1:160765863-160798045	0	1
XLOC_000827	XLOC_000827	PCP4L1	chr1:161228516-161255240	0	1
XLOC_000839	XLOC_000839	MIR4654	chr1:162039580-162339813	0	1
XLOC_000840	XLOC_000840	MIR556	chr1:162039580-162339813	0	1
XLOC_000849	XLOC_000849	LRRCS2	chr1:165446078-165551341	0	1
XLOC_000851	XLOC_000851	LOC440700	chr1:165667986-165679199	0	1
XLOC_000853	XLOC_000853	FMO9P	chr1:166573152-166594473	0	1
XLOC_000856	XLOC_000856	DUSP27	chr1:167064086-167098402	0	1
XLOC_000864	XLOC_000864	MIR557	chr1:168344761-168344859	0	1
XLOC_000865	XLOC_000865	XCL1	chr1:168545710-168551315	0	1
XLOC_000866	XLOC_000866	LINC00626	chr1:168756178-168762126	0	1
XLOC_000870	XLOC_000870	METTL11B	chr1:170115187-170136923	0	1
XLOC_000872	XLOC_000872	PRRX1	chr1:170633312-170708541	0	1
XLOC_000873	XLOC_000873	MROH9	chr1:170904611-171033906	0	1
XLOC_000874	XLOC_000874	FMO3	chr1:171060017-171086959	0	1
XLOC_000875	XLOC_000875	MIR1295B	chr1:171060017-171086959	0	1
XLOC_000876	XLOC_000876	FMO6P	chr1:171106878-171130702	0	1
XLOC_000877	XLOC_000877	FMO2	chr1:171154387-171181822	0	1

XLOC_000878	XLOC_000878	FMO1	chr1:171217662-171255113	0	1
XLOC_000884	XLOC_000884	MIR3120	chr1:171810620-172381857	0	1
XLOC_000885	XLOC_000885	C1orf105	chr1:172389827-172437969	0	1
XLOC_000887	XLOC_000887	FASLG	chr1:172628184-172636012	0	1
XLOC_000889	XLOC_000889	LOC730159	chr1:173577474-173639001	0	1
XLOC_000897	XLOC_000897	TNN	chr1:175036993-175117202	0	1
XLOC_000899	XLOC_000899	FAM5B	chr1:177140632-177251558	0	1
XLOC_000901	XLOC_000901	TEX35	chr1:178482211-178492635	0	1
XLOC_000903	XLOC_000903	MIR4424	chr1:178646883-178646969	0	1
XLOC_000919	XLOC_000919	GM140	chr1:181205523-181207740	0	1
XLOC_000920	XLOC_000920	CACNA1E	chr1:181452685-181775921	0	1
XLOC_000921	XLOC_000921	LINC00272	chr1:182376755-182383948	0	1
XLOC_000922	XLOC_000922	RGSL1	chr1:182419255-182529732	0	1
XLOC_000923	XLOC_000923	LOC284648	chr1:182584274-182585764	0	1
XLOC_000934	XLOC_000934	HMCN1	chr1:185703682-186446655	0	1
XLOC_000939	XLOC_000939	LOC440704	chr1:190594019-190770788	0	1
XLOC_000940	XLOC_000940	RGS18	chr1:192127591-192154945	0	1
XLOC_000941	XLOC_000941	RGS21	chr1:192286121-192336414	0	1
XLOC_000942	XLOC_000942	RGS1	chr1:192544856-192549159	0	1
XLOC_000943	XLOC_000943	RGS13	chr1:192605267-192629440	0	1
XLOC_000947	XLOC_000947	MIR1278	chr1:193091087-193223942	0	1
XLOC_000948	XLOC_000948	CFH	chr1:196621007-196716634	0	1
XLOC_000949	XLOC_000949	CFHR3	chr1:196743929-196763203	0	1
XLOC_000951	XLOC_000951	CFHR4	chr1:196857143-196887843	0	1
XLOC_000952	XLOC_000952	CFHR2	chr1:196912933-196928356	0	1
XLOC_000953	XLOC_000953	CFHR5	chr1:196946666-196978803	0	1
XLOC_000956	XLOC_000956	LHX9	chr1:197881634-197899273	0	1
XLOC_000967	XLOC_000967	MIR5191	chr1:201617449-201796102	0	1
XLOC_000968	XLOC_000968	MIR1231	chr1:201617449-201796102	0	1
XLOC_000974	XLOC_000974	GPR37L1	chr1:202092028-202098634	0	1
XLOC_000986	XLOC_000986	OPTC	chr1:203463270-203478077	0	1
XLOC_001004	XLOC_001004	AVPR1B	chr1:206224282-206231482	0	1
XLOC_001005	XLOC_001005	CTSE	chr1:206317458-206332104	0	1
XLOC_001012	XLOC_001012	IL20	chr1:207039153-207042568	0	1
XLOC_001015	XLOC_001015	C4BPB	chr1:207262211-207273337	0	1
XLOC_001016	XLOC_001016	C4BPA	chr1:207277606-207318317	0	1
XLOC_001018	XLOC_001018	CR2	chr1:207627644-207663240	0	1
XLOC_001020	XLOC_001020	CR1L	chr1:207818457-207897036	0	1
XLOC_001023	XLOC_001023	MIR205HG	chr1:209602167-209605892	0	1
XLOC_001029	XLOC_001029	SYT14	chr1:210111518-210337633	0	1
XLOC_001030	XLOC_001030	SERTAD4	chr1:210404803-210416440	0	1
XLOC_001036	XLOC_001036	MIR3122	chr1:212113740-212278187	0	1
XLOC_001038	XLOC_001038	SNORA16B	chr1:212458878-212535205	0	1
XLOC_001050	XLOC_001050	KCNK2	chr1:215178884-215410436	0	1
XLOC_001053	XLOC_001053	LINC00210	chr1:218066241-218094146	0	1
XLOC_001057	XLOC_001057	RNU5F-1	chr1:220046618-220321383	0	1
XLOC_001059	XLOC_001059	MARK1	chr1:220701567-220837799	0	1
XLOC_001068	XLOC_001068	C1orf65	chr1:223566714-223568812	0	1
XLOC_001085	XLOC_001085	PRSS38	chr1:228003417-228034171	0	1
XLOC_001086	XLOC_001086	WNT3A	chr1:228194722-228248972	0	1
XLOC_001088	XLOC_001088	MIR3620	chr1:228270360-228286913	0	1
XLOC_001094	XLOC_001094	MIR4666A	chr1:228649774-228649853	0	1
XLOC_001101	XLOC_001101	CAPN9	chr1:230883129-230937749	0	1
XLOC_001107	XLOC_001107	MAP10	chr1:232940637-232946092	0	1
XLOC_001111	XLOC_001111	MIR4427	chr1:233749749-233808258	0	1
XLOC_001113	XLOC_001113	MIR4671	chr1:234040678-234460262	0	1
XLOC_001122	XLOC_001122	ACTN2	chr1:236849769-236927558	0	1
XLOC_001125	XLOC_001125	LOC100130331	chr1:238025474-238091619	0	1
XLOC_001127	XLOC_001127	RPS7P5	chr1:240170823-240176560	0	1
XLOC_001128	XLOC_001128	FMN2	chr1:240255184-240638489	0	1
XLOC_001129	XLOC_001129	MIR3123	chr1:240938816-241520478	0	1
XLOC_001131	XLOC_001131	WDR64	chr1:241815579-241965434	0	1
XLOC_001134	XLOC_001134	MIR4677	chr1:243419306-244006886	0	1
XLOC_001135	XLOC_001135	LOC339529	chr1:244080703-244210619	0	1
XLOC_001137	XLOC_001137	C1orf100	chr1:244515936-244552388	0	1
XLOC_001148	XLOC_001148	OR2W5	chr1:247654369-247655711	0	1
XLOC_001149	XLOC_001149	GCSAML	chr1:247712450-247739848	0	1
XLOC_001150	XLOC_001150	OR2G2	chr1:247751661-247752615	0	1
XLOC_001151	XLOC_001151	OR2G3	chr1:247768887-247769817	0	1
XLOC_001153	XLOC_001153	OR2W3	chr1:248058888-248059833	0	1
XLOC_001154	XLOC_001154	OR2T8	chr1:248084319-248085258	0	1
XLOC_001155	XLOC_001155	OR2L13	chr1:248100492-248264224	0	1
XLOC_001156	XLOC_001156	OR2L8	chr1:248100492-248264224	0	1
XLOC_001157	XLOC_001157	OR2AK2	chr1:248100492-248264224	0	1
XLOC_001158	XLOC_001158	OR2L1P	chr1:248100492-248264224	0	1
XLOC_001159	XLOC_001159	OR2L5	chr1:248100492-248264224	0	1
XLOC_001160	XLOC_001160	OR2L2	chr1:248100492-248264224	0	1
XLOC_001161	XLOC_001161	OR2L3	chr1:248100492-248264224	0	1
XLOC_001162	XLOC_001162	OR2M1P	chr1:248285437-248286082	0	1

XLOC_001163	XLOC_001163	OR2M5	chr1:248308449-248309388	0	1
XLOC_001164	XLOC_001164	OR2M2	chr1:248343287-248344331	0	1
XLOC_001165	XLOC_001165	OR2M3	chr1:248366369-248367308	0	1
XLOC_001166	XLOC_001166	OR2M4	chr1:248402230-248403166	0	1
XLOC_001167	XLOC_001167	OR14C36	chr1:248512076-248513015	0	1
XLOC_001168	XLOC_001168	OR2T4	chr1:248524882-248525929	0	1
XLOC_001169	XLOC_001169	OR2T6	chr1:248550909-248551836	0	1
XLOC_001170	XLOC_001170	OR2T1	chr1:248569295-248570405	0	1
XLOC_001171	XLOC_001171	OR2T2	chr1:248616098-248617073	0	1
XLOC_001172	XLOC_001172	OR2T3	chr1:248636651-248637608	0	1
XLOC_001173	XLOC_001173	OR2T5	chr1:248651889-248652837	0	1
XLOC_001174	XLOC_001174	OR2G6	chr1:248684947-248685898	0	1
XLOC_001175	XLOC_001175	MIR3124	chr1:249120575-249120642	0	1
XLOC_001179	XLOC_001179	FAM138F	chr1:34610-36081	0	1
XLOC_001181	XLOC_001181	OR4F3	chr1:621095-622034	0	1
XLOC_001192	XLOC_001192	TNFRSF18	chr1:1138887-1142089	0	1
XLOC_001220	XLOC_001220	HES5	chr1:2460183-2461684	0	1
XLOC_001227	XLOC_001227	MIR551A	chr1:3404505-3528059	0	1
XLOC_001233	XLOC_001233	MIR4689	chr1:5922731-5922801	0	1
XLOC_001241	XLOC_001241	MIR4252	chr1:6484847-6521004	0	1
XLOC_001254	XLOC_001254	MIR34A	chr1:9211726-9211836	0	1
XLOC_001255	XLOC_001255	C1orf200	chr1:9711789-9884550	0	1
XLOC_001261	XLOC_001261	C1orf127	chr1:11006529-11042094	0	1
XLOC_001273	XLOC_001273	PRAMEF11	chr1:1288467-12891264	0	1
XLOC_001274	XLOC_001274	HNRNPCL1,LOC649330	chr1:12907235-12908578	0	1
XLOC_001275	XLOC_001275	PRAMEF4	chr1:12939032-12946025	0	1
XLOC_001276	XLOC_001276	PRAMEF10	chr1:12952726-12958094	0	1
XLOC_001277	XLOC_001277	PRAMEF6	chr1:12998301-13007406	0	1
XLOC_001278	XLOC_001278	PRAMEF5	chr1:13108513-13117751	0	1
XLOC_001279	XLOC_001279	LOC440563	chr1:13182959-13184326	0	1
XLOC_001280	XLOC_001280	PRAMEF3	chr1:13328195-13331692	0	1
XLOC_001281	XLOC_001281	PRAMEF8	chr1:13386646-13390765	0	1
XLOC_001282	XLOC_001282	PRAMEF13,PRAMEF14	chr1:13447413-13452656	0	1
XLOC_001283	XLOC_001283	PRAMEF18	chr1:13474052-13477569	0	1
XLOC_001284	XLOC_001284	PRAMEF7,PRAMEF8	chr1:13607430-13611550	0	1
XLOC_001285	XLOC_001285	PRAMEF14	chr1:13668268-13673511	0	1
XLOC_001286	XLOC_001286	PRAMEF18	chr1:13694888-13698405	0	1
XLOC_001287	XLOC_001287	LRRC38	chr1:13801444-13804242	0	1
XLOC_001294	XLOC_001294	HSPB7	chr1:16340522-16345285	0	1
XLOC_001304	XLOC_001304	ESPNP	chr1:17017712-17046652	0	1
XLOC_001306	XLOC_001306	MIR3675	chr1:17185443-17185516	0	1
XLOC_001310	XLOC_001310	PADI2	chr1:17393255-17445948	0	1
XLOC_001312	XLOC_001312	TAS1R2	chr1:19166092-19186155	0	1
XLOC_001314	XLOC_001314	MIR4695	chr1:19197923-19229293	0	1
XLOC_001324	XLOC_001324	RNF186	chr1:20140521-20141771	0	1
XLOC_001325	XLOC_001325	PLA2G2E	chr1:20246799-20250110	0	1
XLOC_001326	XLOC_001326	PLA2G2A	chr1:20301923-20306932	0	1
XLOC_001328	XLOC_001328	PLA2G2C	chr1:20490483-20501687	0	1
XLOC_001342	XLOC_001342	MIR4253	chr1:23037330-23241823	0	1
XLOC_001356	XLOC_001356	CNR2	chr1:24200459-24239817	0	1
XLOC_001372	XLOC_001372	SLC30A2	chr1:26364513-26372604	0	1
XLOC_001373	XLOC_001373	TRIM63	chr1:26377795-26394125	0	1
XLOC_001375	XLOC_001375	AIM1L	chr1:26648349-26680621	0	1
XLOC_001376	XLOC_001376	ZNF683	chr1:26688124-26699266	0	1
XLOC_001385	XLOC_001385	CD164L2	chr1:27705595-27709805	0	1
XLOC_001388	XLOC_001388	FGR	chr1:27938800-27961727	0	1
XLOC_001395	XLOC_001395	SNORD99	chr1:28879528-28908366	0	1
XLOC_001405	XLOC_001405	MIR4420	chr1:31205314-31230683	0	1
XLOC_001408	XLOC_001408	SNORD103A	chr1:31404352-31538564	0	1
XLOC_001409	XLOC_001409	SNORD103A	chr1:31404352-31538564	0	1
XLOC_001410	XLOC_001410	SNORD85	chr1:31404352-31538564	0	1
XLOC_001417	XLOC_001417	MIR4254	chr1:32192717-32229648	0	1
XLOC_001452	XLOC_001452	CSF3R	chr1:36931643-36948915	0	1
XLOC_001453	XLOC_001453	GRIK3	chr1:37261127-37499844	0	1
XLOC_001456	XLOC_001456	MIR5581	chr1:37955560-37980420	0	1
XLOC_001459	XLOC_001459	RSPO1	chr1:38076950-38100595	0	1
XLOC_001468	XLOC_001468	LOC339442	chr1:38674705-38680439	0	1
XLOC_001474	XLOC_001474	SNORA55	chr1:40026484-40042521	0	1
XLOC_001476	XLOC_001476	NT5C1A	chr1:40124792-40137710	0	1
XLOC_001491	XLOC_001491	GUCA2A	chr1:42628361-42630395	0	1
XLOC_001494	XLOC_001494	CLDN19	chr1:43198763-43205925	0	1
XLOC_001524	XLOC_001524	KNCN	chr1:47004367-47069966	0	1
XLOC_001529	XLOC_001529	CYP4Z2P	chr1:47308766-47366147	0	1
XLOC_001531	XLOC_001531	PDZK1IP1	chr1:47649260-47655771	0	1
XLOC_001536	XLOC_001536	SKINTL	chr1:48567386-48648100	0	1
XLOC_001538	XLOC_001538	AGBL4	chr1:48998526-50489626	0	1
XLOC_001539	XLOC_001539	BEND5	chr1:48998526-50489626	0	1
XLOC_001556	XLOC_001556	SLC25A3P1	chr1:53904042-53905693	0	1
XLOC_001561	XLOC_001561	LDLRAD1	chr1:54472970-54483859	0	1

XLOC_001568	XLOC_001568	TTC22	chr1:55246751-55266941	0	1
XLOC_001572	XLOC_001572	C1orf168	chr1:57184476-57285369	0	1
XLOC_001573	XLOC_001573	C8B	chr1:57394882-57431688	0	1
XLOC_001574	XLOC_001574	DAB1	chr1:57463578-58716211	0	1
XLOC_001580	XLOC_001580	MIR4711	chr1:59762624-60228402	0	1
XLOC_001581	XLOC_001581	CYP2J2	chr1:60358979-60392423	0	1
XLOC_001582	XLOC_001582	C1orf87	chr1:60456065-60539442	0	1
XLOC_001584	XLOC_001584	KANK4	chr1:62701836-62785083	0	1
XLOC_001589	XLOC_001589	MIR3671	chr1:65523437-65523525	0	1
XLOC_001590	XLOC_001590	MIR101-1	chr1:65524116-65524191	0	1
XLOC_001599	XLOC_001599	MIR1262	chr1:68167148-68698284	0	1
XLOC_001600	XLOC_001600	RPE65	chr1:68894506-68915642	0	1
XLOC_001606	XLOC_001606	MIR186	chr1:71318035-71546972	0	1
XLOC_001607	XLOC_001607	NEGR1	chr1:71868624-72748277	0	1
XLOC_001608	XLOC_001608	NEGR1-IT1	chr1:71868624-72748277	0	1
XLOC_001610	XLOC_001610	C1orf173	chr1:75033794-75139422	0	1
XLOC_001612	XLOC_001612	SLC44A5	chr1:75667815-76076799	0	1
XLOC_001613	XLOC_001613	ASB17	chr1:76384557-76398116	0	1
XLOC_001618	XLOC_001618	ELTD1	chr1:79355448-79472495	0	1
XLOC_001619	XLOC_001619	MIR548AP	chr1:84259597-84464833	0	1
XLOC_001637	XLOC_001637	LOC100505768	chr1:87819209-87837338	0	1
XLOC_001643	XLOC_001643	GBP7	chr1:89597433-89641723	0	1
XLOC_001645	XLOC_001645	GBP5	chr1:89724633-89738544	0	1
XLOC_001648	XLOC_001648	BARHL2	chr1:91177578-91182794	0	1
XLOC_001650	XLOC_001650	HFM1	chr1:91726322-91870426	0	1
XLOC_001667	XLOC_001667	MIR137,MIR137HG	chr1:98453555-98515249	0	1
XLOC_001668	XLOC_001668	MIR2682	chr1:98453555-98515249	0	1
XLOC_001669	XLOC_001669	LPPR5	chr1:99355800-99614408	0	1
XLOC_001675	XLOC_001675	LOC100128787	chr1:101092605-101112560	0	1
XLOC_001678	XLOC_001678	RNU6-6	chr1:101806424-101806451	0	1
XLOC_001679	XLOC_001679	OLFM3	chr1:102268126-102462790	0	1
XLOC_001680	XLOC_001680	COL11A1	chr1:103342022-103574052	0	1
XLOC_001681	XLOC_001681	AMY1A	chr1:104230039-104239073	0	1
XLOC_001682	XLOC_001682	VAV3	chr1:108113781-108537229	0	1
XLOC_001684	XLOC_001684	NBPF4	chr1:108765962-108786703	0	1
XLOC_001685	XLOC_001685	HENMT1	chr1:109190909-109204148	0	1
XLOC_001698	XLOC_001698	EPS8L3	chr1:110292701-110306644	0	1
XLOC_001703	XLOC_001703	KCNA10	chr1:111059838-1111061797	0	1
XLOC_001704	XLOC_001704	KCNA2	chr1:111136201-111174096	0	1
XLOC_001705	XLOC_001705	KCNA3	chr1:111214309-111217655	0	1
XLOC_001709	XLOC_001709	PGCP1	chr1:111927140-111932473	0	1
XLOC_001716	XLOC_001716	MIR4256	chr1:113004391-113004455	0	1
XLOC_001721	XLOC_001721	LOC643441	chr1:113739403-113748875	0	1
XLOC_001727	XLOC_001727	SYT6	chr1:114631913-114696472	0	1
XLOC_001730	XLOC_001730	DENND2C	chr1:115127195-115212732	0	1
XLOC_001734	XLOC_001734	TSPAN2	chr1:115590632-115632121	0	1
XLOC_001735	XLOC_001735	NGF	chr1:115828536-115880857	0	1
XLOC_001744	XLOC_001744	SPAG17	chr1:118472371-118727848	0	1
XLOC_001749	XLOC_001749	HMGCS2	chr1:120290618-120311555	0	1
XLOC_001752	XLOC_001752	ADAM30	chr1:120436155-120439147	0	1
XLOC_001760	XLOC_001760	PPIAL4B	chr1:144363461-144364246	0	1
XLOC_001763	XLOC_001763	LOC653513	chr1:144614958-144828810	0	1
XLOC_001771	XLOC_001771	PDZK1P1	chr1:145924387-145942619	0	1
XLOC_001779	XLOC_001779	PDZK1P1	chr1:147466093-147484331	0	1
XLOC_001781	XLOC_001781	MIR5087	chr1:147806602-147806678	0	1
XLOC_001782	XLOC_001782	FLJ39739	chr1:147906021-147931980	0	1
XLOC_001783	XLOC_001783	PPIAL4B	chr1:147954634-147955419	0	1
XLOC_001785	XLOC_001785	PPIAL4D	chr1:148201751-148202536	0	1
XLOC_001788	XLOC_001788	HIST2H3A	chr1:149812258-149812765	0	1
XLOC_001789	XLOC_001789	HIST2H2AA3	chr1:149813784-149814318	0	1
XLOC_001791	XLOC_001791	HIST2H4A	chr1:149832329-149832725	0	1
XLOC_001803	XLOC_001803	HORMAD1	chr1:150670534-150693364	0	1
XLOC_001816	XLOC_001816	SELENBP1	chr1:151336777-151345210	0	1
XLOC_001821	XLOC_001821	LINGO4	chr1:151772764-151777882	0	1
XLOC_001823	XLOC_001823	C2CD4D	chr1:151810338-151816641	0	1
XLOC_001824	XLOC_001824	THEM5	chr1:151819576-151826173	0	1
XLOC_001828	XLOC_001828	TCHHL1	chr1:152056619-152061540	0	1
XLOC_001829	XLOC_001829	TCHH	chr1:152078792-152087930	0	1
XLOC_001830	XLOC_001830	RPTN	chr1:152126070-152131704	0	1
XLOC_001833	XLOC_001833	FLG2	chr1:152321212-152332482	0	1
XLOC_001834	XLOC_001834	CRNN	chr1:152381718-152386750	0	1
XLOC_001835	XLOC_001835	LCE3E	chr1:152538174-152539229	0	1
XLOC_001836	XLOC_001836	LCE3D	chr1:152551859-152552980	0	1
XLOC_001837	XLOC_001837	LCE3A	chr1:152595309-152595579	0	1
XLOC_001839	XLOC_001839	SPRR2D	chr1:153012200-153013594	0	1
XLOC_001840	XLOC_001840	SPRR2A	chr1:153028595-153029988	0	1
XLOC_001841	XLOC_001841	SPRR2B	chr1:153042717-153044084	0	1
XLOC_001842	XLOC_001842	SPRR2E	chr1:153065610-153067001	0	1
XLOC_001843	XLOC_001843	SPRR2F	chr1:153084612-153085989	0	1

XLOC_001844	XLOC_001844	SPRR2C	chr1:153112593-153113969	0	1
XLOC_001845	XLOC_001845	SPRR2G	chr1:153122057-153123427	0	1
XLOC_001846	XLOC_001846	PGLYRP3	chr1:153270337-153283194	0	1
XLOC_001847	XLOC_001847	PGLYRP4	chr1:153302596-153321022	0	1
XLOC_001848	XLOC_001848	S100A12	chr1:153346183-153348075	0	1
XLOC_001849	XLOC_001849	S100A8	chr1:153362507-153363664	0	1
XLOC_001850	XLOC_001850	S100A7L2	chr1:153409470-153412503	0	1
XLOC_001851	XLOC_001851	S100A7	chr1:153430219-153433137	0	1
XLOC_001869	XLOC_001869	MIR190B	chr1:154166140-154166219	0	1
XLOC_001898	XLOC_001898	SNORA42	chr1:155882835-155904188	0	1
XLOC_001907	XLOC_001907	VHLL	chr1:156268414-156269428	0	1
XLOC_001910	XLOC_001910	MIR9-1	chr1:156374054-156399184	0	1
XLOC_001920	XLOC_001920	INSRR	chr1:156776034-156851642	0	1
XLOC_001922	XLOC_001922	MIR765	chr1:156904631-157015162	0	1
XLOC_001923	XLOC_001923	ETV3L	chr1:157061834-157069600	0	1
XLOC_001925	XLOC_001925	FCRL5	chr1:157483166-157522310	0	1
XLOC_001926	XLOC_001926	FCRL4	chr1:157543538-157567870	0	1
XLOC_001927	XLOC_001927	FCRL3	chr1:157647977-157670647	0	1
XLOC_001928	XLOC_001928	FCRL2	chr1:157715522-157746922	0	1
XLOC_001929	XLOC_001929	FCRL1	chr1:157764193-157789940	0	1
XLOC_001930	XLOC_001930	CD5L	chr1:157800703-157811634	0	1
XLOC_001931	XLOC_001931	LOC646268	chr1:158101833-158110430	0	1
XLOC_001932	XLOC_001932	CD1B	chr1:158297739-158301321	0	1
XLOC_001933	XLOC_001933	OR10T2	chr1:158368311-158369256	0	1
XLOC_001934	XLOC_001934	OR10K2	chr1:158389717-158390656	0	1
XLOC_001935	XLOC_001935	OR6Y1	chr1:158516917-158517895	0	1
XLOC_001936	XLOC_001936	OR6P1	chr1:158532440-158533394	0	1
XLOC_001937	XLOC_001937	OR10X1	chr1:158548708-158549689	0	1
XLOC_001938	XLOC_001938	SPTA1	chr1:158580495-158656506	0	1
XLOC_001939	XLOC_001939	OR6K2	chr1:158669467-158670442	0	1
XLOC_001940	XLOC_001940	OR6K3	chr1:158686957-158687905	0	1
XLOC_001941	XLOC_001941	OR6N1	chr1:158735533-158736472	0	1
XLOC_001942	XLOC_001942	OR6N2	chr1:158746471-158747425	0	1
XLOC_001943	XLOC_001943	AIM2	chr1:159032274-159046647	0	1
XLOC_001944	XLOC_001944	LOC100131825	chr1:159141376-159172932	0	1
XLOC_001945	XLOC_001945	OR10J3	chr1:159283459-159284449	0	1
XLOC_001946	XLOC_001946	OR10J5	chr1:159504867-159505797	0	1
XLOC_001947	XLOC_001947	CRP	chr1:159682078-159684379	0	1
XLOC_001951	XLOC_001951	IGSF9	chr1:159896828-159915386	0	1
XLOC_001952	XLOC_001952	SLAMF9	chr1:159921281-159924044	0	1
XLOC_001959	XLOC_001959	SLAMF6	chr1:160454819-160493052	0	1
XLOC_001961	XLOC_001961	SLAMF1	chr1:160579890-160617081	0	1
XLOC_001962	XLOC_001962	CD48	chr1:160648535-160681641	0	1
XLOC_001963	XLOC_001963	CD244	chr1:160799949-160832692	0	1
XLOC_001964	XLOC_001964	ITLN1	chr1:160846329-160885490	0	1
XLOC_001965	XLOC_001965	ITLN2	chr1:160914815-160924589	0	1
XLOC_001977	XLOC_001977	MPZ	chr1:161274524-161279762	0	1
XLOC_001980	XLOC_001980	FCGR3B	chr1:161592987-161601753	0	1
XLOC_001984	XLOC_001984	SH2D1B	chr1:162365055-162381928	0	1
XLOC_001987	XLOC_001987	LOC100505795	chr1:164528596-164821060	0	1
XLOC_001988	XLOC_001988	LMX1A	chr1:165171103-165325952	0	1
XLOC_001989	XLOC_001989	XRXG	chr1:165370158-165414592	0	1
XLOC_001994	XLOC_001994	MIR921	chr1:166039255-166135958	0	1
XLOC_002000	XLOC_002000	ADCY10	chr1:167778624-167883453	0	1
XLOC_002005	XLOC_002005	XCL2	chr1:168510002-168513235	0	1
XLOC_002006	XLOC_002006	DPT	chr1:168664694-168698442	0	1
XLOC_002011	XLOC_002011	SELP	chr1:169558087-169599377	0	1
XLOC_002017	XLOC_002017	MIR3119-1	chr1:170115187-170136923	0	1
XLOC_002018	XLOC_002018	LOC284688	chr1:170240545-170253349	0	1
XLOC_002019	XLOC_002019	MIR1295A	chr1:171060017-171086959	0	1
XLOC_002020	XLOC_002020	MYOC	chr1:171604556-171621773	0	1
XLOC_002022	XLOC_002022	DNM3OS	chr1:171810620-172381857	0	1
XLOC_002024	XLOC_002024	TNFSF18	chr1:173010359-173020103	0	1
XLOC_002027	XLOC_002027	SLC9C2	chr1:173469603-173572233	0	1
XLOC_002031	XLOC_002031	SNORD81	chr1:173832385-173837125	0	1
XLOC_002033	XLOC_002033	SNORD80	chr1:173832385-173837125	0	1
XLOC_002034	XLOC_002034	SNORD79	chr1:173832385-173837125	0	1
XLOC_002035	XLOC_002035	SNORD78	chr1:173832385-173837125	0	1
XLOC_002036	XLOC_002036	SNORD44	chr1:173832385-173837125	0	1
XLOC_002037	XLOC_002037	SNORD77	chr1:173832385-173837125	0	1
XLOC_002039	XLOC_002039	SNORD75	chr1:173832385-173837125	0	1
XLOC_002040	XLOC_002040	SNORD74	chr1:173832385-173837125	0	1
XLOC_002045	XLOC_002045	TNR	chr1:175291934-175712752	0	1
XLOC_002049	XLOC_002049	MIR488	chr1:176830202-177134024	0	1
XLOC_002051	XLOC_002051	LOC730102	chr1:177975274-178007142	0	1
XLOC_002059	XLOC_002059	MIR3121	chr1:180257351-180472022	0	1
XLOC_002066	XLOC_002066	RGS8	chr1:182615791-182642067	0	1
XLOC_002067	XLOC_002067	SHCBP1L	chr1:182868999-182922553	0	1
XLOC_002070	XLOC_002070	NCF2	chr1:183524696-183560056	0	1

XLOC_002078	XLOC_002078	LOC100288079	chr1:185292978-185304171	0	1
XLOC_002079	XLOC_002079	MIR548F1	chr1:185703682-186446655	0	1
XLOC_002082	XLOC_002082	PTGS2	chr1:186640943-186649559	0	1
XLOC_002083	XLOC_002083	FAM5C	chr1:190066796-190446759	0	1
XLOC_002087	XLOC_002087	KCNT2	chr1:196194912-196577499	0	1
XLOC_002088	XLOC_002088	MIR4735	chr1:196194912-196577499	0	1
XLOC_002092	XLOC_002092	DENND1B	chr1:197473878-197744623	0	1
XLOC_002093	XLOC_002093	ATP6V1G3	chr1:198492351-198510075	0	1
XLOC_002095	XLOC_002095	MIR181B1	chr1:198777131-198906558	0	1
XLOC_002096	XLOC_002096	MIR181A1	chr1:198777131-198906558	0	1
XLOC_002102	XLOC_002102	CACNA1S	chr1:201008639-201081694	0	1
XLOC_002105	XLOC_002105	TNNT2	chr1:201328135-201346828	0	1
XLOC_002106	XLOC_002106	LAD1	chr1:201349965-201368669	0	1
XLOC_002107	XLOC_002107	TNNI1	chr1:201372894-201390874	0	1
XLOC_002110	XLOC_002110	RNU6-79	chr1:201617449-201796102	0	1
XLOC_002121	XLOC_002121	LOC401980	chr1:202955579-202976393	0	1
XLOC_002123	XLOC_002123	MYBPH	chr1:203136938-203144942	0	1
XLOC_002124	XLOC_002124	CHI3L1	chr1:203148058-203155922	0	1
XLOC_002125	XLOC_002125	CHIT1	chr1:203185206-203198880	0	1
XLOC_002127	XLOC_002127	FMOD	chr1:203309751-203320289	0	1
XLOC_002128	XLOC_002128	LINC00303	chr1:204001574-204010392	0	1
XLOC_002142	XLOC_002142	KLHDC8A	chr1:205305192-205326218	0	1
XLOC_002144	XLOC_002144	MIR135B	chr1:205417429-205417526	0	1
XLOC_002151	XLOC_002151	PM20D1	chr1:205797149-205819276	0	1
XLOC_002152	XLOC_002152	SLC26A9	chr1:205882176-205912588	0	1
XLOC_002153	XLOC_002153	C1orf186	chr1:206238881-206288236	0	1
XLOC_002156	XLOC_002156	FAIM3	chr1:207070787-207095378	0	1
XLOC_002158	XLOC_002158	FCAMR	chr1:207131311-207143970	0	1
XLOC_002162	XLOC_002162	MIR29B2	chr1:207975787-207975868	0	1
XLOC_002183	XLOC_002183	ESRRG	chr1:216676587-217311097	0	1
XLOC_002185	XLOC_002185	LOC728463	chr1:218517537-218617961	0	1
XLOC_002187	XLOC_002187	SLC30A10	chr1:220046618-220321383	0	1
XLOC_002190	XLOC_002190	MIR215	chr1:220046618-220321383	0	1
XLOC_002191	XLOC_002191	MIR194-1	chr1:220046618-220321383	0	1
XLOC_002193	XLOC_002193	MIR664,SNORA36B	chr1:220321609-220445843	0	1
XLOC_002195	XLOC_002195	C1orf140	chr1:221503269-221509638	0	1
XLOC_002205	XLOC_002205	MIR320B2	chr1:224415035-224517891	0	1
XLOC_002207	XLOC_002207	MIR4742	chr1:224572844-224622001	0	1
XLOC_002211	XLOC_002211	LEFTY1	chr1:226073981-226076846	0	1
XLOC_002213	XLOC_002213	LEFTY2	chr1:226124297-226129083	0	1
XLOC_002220	XLOC_002220	ZNF847P	chr1:227884732-227885408	0	1
XLOC_002222	XLOC_002222	WNT9A	chr1:228109164-228135676	0	1
XLOC_002223	XLOC_002223	MIR5008	chr1:228109164-228135676	0	1
XLOC_002229	XLOC_002229	HIST3H3	chr1:228612545-228613026	0	1
XLOC_002236	XLOC_002236	PGBD5	chr1:230457391-230561674	0	1
XLOC_002241	XLOC_002241	LOC149373	chr1:231298673-231357314	0	1
XLOC_002245	XLOC_002245	SNRPD2P2	chr1:231611509-231612271	0	1
XLOC_002246	XLOC_002246	LINC00582	chr1:231664398-232177019	0	1
XLOC_002257	XLOC_002257	MIR4753	chr1:235330209-235491532	0	1
XLOC_002261	XLOC_002261	MIR1537	chr1:235824344-236030220	0	1
XLOC_002262	XLOC_002262	NID1	chr1:236139131-236228481	0	1
XLOC_002266	XLOC_002266	MT1P2	chr1:237167402-237167718	0	1
XLOC_002267	XLOC_002267	ZP4	chr1:238025474-238091619	0	1
XLOC_002268	XLOC_002268	LOC339535	chr1:238643683-238649317	0	1
XLOC_002269	XLOC_002269	GREM2	chr1:240652872-240775462	0	1
XLOC_002270	XLOC_002270	RGS7	chr1:240938816-241520478	0	1
XLOC_002275	XLOC_002275	PLD5	chr1:242251688-242687998	0	1
XLOC_002283	XLOC_002283	LOC255654	chr1:246679340-246687589	0	1
XLOC_002290	XLOC_002290	MIR3916	chr1:247365268-247365362	0	1
XLOC_002292	XLOC_002292	OR2B11	chr1:247614330-247615284	0	1
XLOC_002293	XLOC_002293	OR2C3	chr1:247687980-247697141	0	1
XLOC_002294	XLOC_002294	OR13G1	chr1:247835419-247836343	0	1
XLOC_002295	XLOC_002295	OR6F1	chr1:247875130-247876057	0	1
XLOC_002296	XLOC_002296	OR1C1	chr1:247920763-247921708	0	1
XLOC_002297	XLOC_002297	OR14A16	chr1:247978101-247979031	0	1
XLOC_002298	XLOC_002298	OR11L1	chr1:248004229-248005198	0	1
XLOC_002299	XLOC_002299	OR2T33	chr1:248436153-248437116	0	1
XLOC_002300	XLOC_002300	OR2T12	chr1:248457917-248458880	0	1
XLOC_002301	XLOC_002301	OR2M7	chr1:248486931-248487870	0	1
XLOC_002302	XLOC_002302	OR2T29	chr1:248721844-248722792	0	1
XLOC_002303	XLOC_002303	OR2T34	chr1:248737101-248738058	0	1
XLOC_002304	XLOC_002304	OR2T10	chr1:248756130-248757069	0	1
XLOC_002305	XLOC_002305	OR2T11	chr1:248789478-248790429	0	1
XLOC_002306	XLOC_002306	OR2T35	chr1:248801587-248802559	0	1
XLOC_002307	XLOC_002307	OR2T27	chr1:248813231-248814185	0	1
XLOC_002308	XLOC_002308	OR14I1	chr1:248844669-248845605	0	1
XLOC_002309	XLOC_002309	LYPD8	chr1:248902716-248903151	0	1
XLOC_002317	XLOC_002317	LINC00200	chr10:1205707-1210612	0	1
XLOC_002318	XLOC_002318	ADARB2-AS1	chr10:1223252-1779670	0	1

XLOC_002321	XLOC_002321	LINC00705	chr10:4692376-4720262	0	1
XLOC_002322	XLOC_002322	AKR1E2	chr10:4868368-4890251	0	1
XLOC_002323	XLOC_002323	AKR1C1	chr10:5005453-5020158	0	1
XLOC_002325	XLOC_002325	AKR1C4	chr10:5238797-5260910	0	1
XLOC_002326	XLOC_002326	UCN3	chr10:5406975-5416169	0	1
XLOC_002328	XLOC_002328	CALML3	chr10:5566923-5568225	0	1
XLOC_002333	XLOC_002333	MIR3155A	chr10:6186842-6277507	0	1
XLOC_002342	XLOC_002342	ECHDC3	chr10:11784355-11806065	0	1
XLOC_002348	XLOC_002348	MIR4480	chr10:12391582-12871733	0	1
XLOC_002353	XLOC_002353	MIR1265	chr10:14478574-14478660	0	1
XLOC_002361	XLOC_002361	ST8SIA6-AS1	chr10:17362675-17496254	0	1
XLOC_002365	XLOC_002365	MIR511-1	chr10:17851361-17953178	0	1
XLOC_002367	XLOC_002367	MRC1	chr10:18098351-18200091	0	1
XLOC_002368	XLOC_002368	MIR511-2	chr10:18098351-18200091	0	1
XLOC_002369	XLOC_002369	SLC39A12	chr10:18240767-18332221	0	1
XLOC_002372	XLOC_002372	PLXDC2	chr10:20105371-20569115	0	1
XLOC_002373	XLOC_002373	MIR4675	chr10:20840898-20840975	0	1
XLOC_002374	XLOC_002374	NEBL-AS1	chr10:21068902-21463852	0	1
XLOC_002376	XLOC_002376	LOC100130992	chr10:22541000-22547477	0	1
XLOC_002379	XLOC_002379	ARMC3	chr10:23216953-23326514	0	1
XLOC_002381	XLOC_002381	PTF1A	chr10:23481459-23483181	0	1
XLOC_002384	XLOC_002384	MIR603	chr10:23983674-24836772	0	1
XLOC_002387	XLOC_002387	MYO3A	chr10:26223001-26501465	0	1
XLOC_002388	XLOC_002388	GAD2	chr10:26505235-26593491	0	1
XLOC_002389	XLOC_002389	APBB1IP	chr10:26727265-26856732	0	1
XLOC_002391	XLOC_002391	LINC00202-2	chr10:26932036-26942383	0	1
XLOC_002396	XLOC_002396	MIR5586	chr10:28821421-28912041	0	1
XLOC_002398	XLOC_002398	LYZL1	chr10:29577989-29600158	0	1
XLOC_002406	XLOC_002406	ANKRD30A	chr10:37414784-37521495	0	1
XLOC_002412	XLOC_002412	ACTR3BP5	chr10:38989726-38991371	0	1
XLOC_002415	XLOC_002415	MIR5100	chr10:43493010-43493129	0	1
XLOC_002424	XLOC_002424	LINC00619	chr10:44340753-44346070	0	1
XLOC_002425	XLOC_002425	LINC00840	chr10:44354858-44390881	0	1
XLOC_002426	XLOC_002426	LINC00841	chr10:44404751-44465355	0	1
XLOC_002427	XLOC_002427	LOC100130539	chr10:44788197-44790097	0	1
XLOC_002428	XLOC_002428	TMEM72	chr10:45306471-45455137	0	1
XLOC_002431	XLOC_002431	ANKRD30BP3	chr10:45650109-45681489	0	1
XLOC_002432	XLOC_002432	MIR3156-1	chr10:45650109-45681489	0	1
XLOC_002438	XLOC_002438	PPYR1	chr10:47083533-47088320	0	1
XLOC_002440	XLOC_002440	ANXA8L2	chr10:47746919-47763040	0	1
XLOC_002443	XLOC_002443	BMS1P2	chr10:48185838-48203780	0	1
XLOC_002445	XLOC_002445	FAM25C	chr10:48247661-48252125	0	1
XLOC_002446	XLOC_002446	ANXA8	chr10:48255203-48271368	0	1
XLOC_002451	XLOC_002451	FAM170B-AS1	chr10:50329883-50359592	0	1
XLOC_002452	XLOC_002452	C10orf71	chr10:50507186-50535537	0	1
XLOC_002453	XLOC_002453	CHAT	chr10:50817140-50873150	0	1
XLOC_002454	XLOC_002454	SLC18A3	chr10:50817140-50873150	0	1
XLOC_002455	XLOC_002455	C10orf53	chr10:50887683-50916956	0	1
XLOC_002461	XLOC_002461	PRKG1	chr10:52750910-54073888	0	1
XLOC_002462	XLOC_002462	MIR605	chr10:52750910-54073888	0	1
XLOC_002463	XLOC_002463	DKK1	chr10:54074040-54077417	0	1
XLOC_002468	XLOC_002468	BICC1	chr10:60272903-60588845	0	1
XLOC_002470	XLOC_002470	PHYHIPL	chr10:60936347-61122661	0	1
XLOC_002472	XLOC_002472	C10orf107	chr10:63422718-63526091	0	1
XLOC_002474	XLOC_002474	MIR548AV	chr10:63661012-63856707	0	1
XLOC_002480	XLOC_002480	ANXA2P3	chr10:66585284-66586634	0	1
XLOC_002481	XLOC_002481	LRRTM3	chr10:67679724-69455949	0	1
XLOC_002487	XLOC_002487	SNORD98	chr10:70480970-70551309	0	1
XLOC_002492	XLOC_002492	SRGN	chr10:70847827-70864567	0	1
XLOC_002508	XLOC_002508	CHST3	chr10:73724119-73773322	0	1
XLOC_002512	XLOC_002512	MIR4676	chr10:74451888-74647452	0	1
XLOC_002513	XLOC_002513	OIT3	chr10:74653338-74692787	0	1
XLOC_002528	XLOC_002528	ZNF503-AS1	chr10:77056140-77121436	0	1
XLOC_002533	XLOC_002533	LINC00856	chr10:80008381-80012402	0	1
XLOC_002538	XLOC_002538	SFTPA1	chr10:81370694-81375199	0	1
XLOC_002541	XLOC_002541	LOC100288974.MBL1P	chr10:81664653-81691557	0	1
XLOC_002543	XLOC_002543	PLAC9	chr10:81892257-81904784	0	1
XLOC_002549	XLOC_002549	NRG3	chr10:83635069-84746935	0	1
XLOC_002551	XLOC_002551	C10orf99	chr10:85933553-85945050	0	1
XLOC_002552	XLOC_002552	CDHR1	chr10:85954411-85979376	0	1
XLOC_002553	XLOC_002553	RGR	chr10:86004808-86018944	0	1
XLOC_002554	XLOC_002554	LINC00858	chr10:86039735-86054415	0	1
XLOC_002556	XLOC_002556	GRID1-AS1	chr10:87337487-88126250	0	1
XLOC_002562	XLOC_002562	FAM25A	chr10:88780045-88784487	0	1
XLOC_002567	XLOC_002567	MIR4678	chr10:89263637-89263711	0	1
XLOC_002572	XLOC_002572	LIPJ	chr10:90346518-90366733	0	1
XLOC_002573	XLOC_002573	LIPF	chr10:90424145-90438572	0	1
XLOC_002574	XLOC_002574	LIPK	chr10:90484300-90512513	0	1
XLOC_002575	XLOC_002575	LIPN	chr10:90521162-90537999	0	1

XLOC_002576	XLOC_002576	LIPM	chr10:90562486-90611732	0	1
XLOC_002579	XLOC_002579	MIR4679-1	chr10:90823091-90823168	0	1
XLOC_002582	XLOC_002582	IFIT1B	chr10:91137812-91144962	0	1
XLOC_002586	XLOC_002586	LOC643529	chr10:91589249-91600618	0	1
XLOC_002588	XLOC_002588	LINC00502	chr10:92805564-92821916	0	1
XLOC_002596	XLOC_002596	HHEX	chr10:94449680-94455408	0	1
XLOC_002598	XLOC_002598	CYP26C1	chr10:94821020-94828454	0	1
XLOC_002602	XLOC_002602	PDE6C	chr10:95372344-95425429	0	1
XLOC_002603	XLOC_002603	LG1	chr10:95517565-95557916	0	1
XLOC_002611	XLOC_002611	C10orf129	chr10:96953956-96988686	0	1
XLOC_002617	XLOC_002617	DNTT	chr10:98064084-98098321	0	1
XLOC_002620	XLOC_002620	LOC100505540	chr10:98757794-99052430	0	1
XLOC_002625	XLOC_002625	ANKRD2	chr10:99332255-99343641	0	1
XLOC_002628	XLOC_002628	MIR5692C2	chr10:99344101-99372555	0	1
XLOC_002635	XLOC_002635	NKX2-3	chr10:101292689-101296280	0	1
XLOC_002647	XLOC_002647	MIR608	chr10:102732285-102747272	0	1
XLOC_002653	XLOC_002653	FLJ41350	chr10:102989350-102998616	0	1
XLOC_002665	XLOC_002665	MIR146B	chr10:104196268-104196341	0	1
XLOC_002674	XLOC_002674	LOC729020	chr10:105005643-105007773	0	1
XLOC_002675	XLOC_002675	INA	chr10:105036919-105050108	0	1
XLOC_002685	XLOC_002685	SORCS3	chr10:106400858-107024993	0	1
XLOC_002686	XLOC_002686	RNU6-53	chr10:110930414-110999490	0	1
XLOC_002691	XLOC_002691	RBM20	chr10:112404154-112599227	0	1
XLOC_002695	XLOC_002695	TECTB	chr10:114043492-114063070	0	1
XLOC_002698	XLOC_002698	MIR4295	chr10:114206755-114578504	0	1
XLOC_002705	XLOC_002705	TDRD1	chr10:115939028-115992063	0	1
XLOC_002706	XLOC_002706	VWA2	chr10:115999012-116054259	0	1
XLOC_002709	XLOC_002709	ATRNL1	chr10:116853123-117708496	0	1
XLOC_002710	XLOC_002710	CCDC172	chr10:118083939-118139541	0	1
XLOC_002711	XLOC_002711	PNLIPRP3	chr10:118187423-118237468	0	1
XLOC_002712	XLOC_002712	PNLIP	chr10:118305427-118327367	0	1
XLOC_002716	XLOC_002716	KCNK18	chr10:118956999-118969810	0	1
XLOC_002718	XLOC_002718	EMX2	chr10:119243803-119309057	0	1
XLOC_002723	XLOC_002723	MIR4681	chr10:120967196-121215131	0	1
XLOC_002727	XLOC_002727	MIR4682	chr10:121718024-121718104	0	1
XLOC_002728	XLOC_002728	PPAPDC1A	chr10:122216465-122806858	0	1
XLOC_002729	XLOC_002729	MIR5694	chr10:122216465-122806858	0	1
XLOC_002734	XLOC_002734	MIR3941	chr10:124134093-124191871	0	1
XLOC_002740	XLOC_002740	FAM24A	chr10:124670216-124672627	0	1
XLOC_002744	XLOC_002744	HMX2	chr10:124907637-124910188	0	1
XLOC_002746	XLOC_002746	GPR26	chr10:125425870-125456913	0	1
XLOC_002750	XLOC_002750	LOC100169752	chr10:127262939-127267014	0	1
XLOC_002757	XLOC_002757	NPS	chr10:129347612-129350935	0	1
XLOC_002758	XLOC_002758	FOXI2	chr10:129535537-129539450	0	1
XLOC_002770	XLOC_002770	LOC399829	chr10:134779037-134790001	0	1
XLOC_002771	XLOC_002771	GPR123	chr10:134901408-134945179	0	1
XLOC_002773	XLOC_002773	UTF1	chr10:135043777-135045062	0	1
XLOC_002781	XLOC_002781	DUX2,DUX4,DUX4L2	chr10:135480367-135498492	0	1
XLOC_002784	XLOC_002784	MIR5699	chr10:320129-735608	0	1
XLOC_002788	XLOC_002788	ADARB2	chr10:1223252-1779670	0	1
XLOC_002789	XLOC_002789	LINC00700	chr10:2047666-2056542	0	1
XLOC_002790	XLOC_002790	LINC00701	chr10:2342512-2357268	0	1
XLOC_002794	XLOC_002794	AKR1C6P	chr10:4913858-4958465	0	1
XLOC_002795	XLOC_002795	AKR1C2	chr10:5029967-5060225	0	1
XLOC_002796	XLOC_002796	AKR1CL1	chr10:5196654-5227150	0	1
XLOC_002798	XLOC_002798	CALML5	chr10:5540657-5541533	0	1
XLOC_002803	XLOC_002803	IL2RA	chr10:6052656-6104333	0	1
XLOC_002804	XLOC_002804	MIR3155B	chr10:6186842-6277507	0	1
XLOC_002809	XLOC_002809	GATA3-AS1	chr10:8092412-8095447	0	1
XLOC_002811	XLOC_002811	LINC00710	chr10:10976902-10994126	0	1
XLOC_002812	XLOC_002812	CELF2-AS2	chr10:11047258-11378672	0	1
XLOC_002818	XLOC_002818	UCMA	chr10:13263766-13276328	0	1
XLOC_002831	XLOC_002831	ITGA8	chr10:15559087-15761770	0	1
XLOC_002839	XLOC_002839	LOC100129213	chr10:18240767-18332221	0	1
XLOC_002842	XLOC_002842	C10orf113	chr10:210668902-21463852	0	1
XLOC_002844	XLOC_002844	MIR1915	chr10:21783420-21786213	0	1
XLOC_002847	XLOC_002847	EBLN1	chr10:22497742-22498912	0	1
XLOC_002850	XLOC_002850	C10orf67	chr10:23605519-23633772	0	1
XLOC_002854	XLOC_002854	GPR158-AS1	chr10:25447000-25891157	0	1
XLOC_002861	XLOC_002861	PTCHD3	chr10:27687116-27703297	0	1
XLOC_002862	XLOC_002862	MKX	chr10:27961802-28034778	0	1
XLOC_002866	XLOC_002866	LINC00837	chr10:29078239-29084979	0	1
XLOC_002868	XLOC_002868	MIR604	chr10:29746276-30024730	0	1
XLOC_002869	XLOC_002869	MIR938	chr10:29746276-30024730	0	1
XLOC_002870	XLOC_002870	KIAA1462	chr10:30301728-30348488	0	1
XLOC_002872	XLOC_002872	LYZL2	chr10:30900707-30918647	0	1
XLOC_002880	XLOC_002880	LINC00838	chr10:34048640-34061608	0	1
XLOC_002884	XLOC_002884	MTRNR2L7	chr10:37890365-37891859	0	1
XLOC_002897	XLOC_002897	CXCL12	chr10:44865604-44880545	0	1

XLOC_002898	XLOC_002898	TMEM72-AS1	chr10:45306471-45455137	0	1
XLOC_002901	XLOC_002901	RSU1P2	chr10:45594923-45650044	0	1
XLOC_002904	XLOC_002904	ZFAND4	chr10:46111038-46168251	0	1
XLOC_002906	XLOC_002906	PTPN20A,PTPN20B	chr10:46550122-46641003	0	1
XLOC_002912	XLOC_002912	FAM25C	chr10:47177221-47181688	0	1
XLOC_002913	XLOC_002913	AGAP9	chr10:47191843-47213626	0	1
XLOC_002917	XLOC_002917	GDF10	chr10:48425787-48439138	0	1
XLOC_002918	XLOC_002918	PTPN20A,PTPN20B	chr10:48737041-48827924	0	1
XLOC_002919	XLOC_002919	FRMPD2P1	chr10:48844035-48862688	0	1
XLOC_002921	XLOC_002921	FAM25C	chr10:49203372-49207825	0	1
XLOC_002925	XLOC_002925	LRRC18	chr10:49893517-50191001	0	1
XLOC_002926	XLOC_002926	MIR4294	chr10:50193556-50193632	0	1
XLOC_002928	XLOC_002928	FAM170B	chr10:50329883-50359592	0	1
XLOC_002929	XLOC_002929	C10orf128	chr10:50363890-50396407	0	1
XLOC_002930	XLOC_002930	DRGX	chr10:50574160-50604062	0	1
XLOC_002932	XLOC_002932	OGDHL	chr10:50942686-50970425	0	1
XLOC_002942	XLOC_002942	PRKG1-AS1	chr10:52750910-54073888	0	1
XLOC_002943	XLOC_002943	MBL2	chr10:54525139-54531460	0	1
XLOC_002944	XLOC_002944	PCDH15	chr10:55562532-56561051	0	1
XLOC_002946	XLOC_002946	MIR3924	chr10:59064238-59064319	0	1
XLOC_002950	XLOC_002950	M1	chr10:61496747-61513203	0	1
XLOC_002952	XLOC_002952	C10orf40	chr10:61717974-61720671	0	1
XLOC_002955	XLOC_002955	TMEM26	chr10:63166400-63213208	0	1
XLOC_002959	XLOC_002959	MIR1296	chr10:64926987-65226322	0	1
XLOC_002960	XLOC_002960	CTNNA3	chr10:67679724-69455949	0	1
XLOC_002969	XLOC_002969	NEUROG3	chr10:71331790-71333210	0	1
XLOC_002974	XLOC_002974	NPFFR1	chr10:72014712-72043450	0	1
XLOC_002978	XLOC_002978	TBATA	chr10:72530994-72545157	0	1
XLOC_002981	XLOC_002981	C10orf105	chr10:73156690-73575704	0	1
XLOC_002982	XLOC_002982	C10orf54	chr10:73156690-73575704	0	1
XLOC_002987	XLOC_002987	MIR1256	chr10:74119697-74385949	0	1
XLOC_003008	XLOC_003008	DUPD1	chr10:76797593-76818272	0	1
XLOC_003018	XLOC_003018	SFTPD	chr10:81697495-81708861	0	1
XLOC_003023	XLOC_003023	LRIT2	chr10:85980248-85985284	0	1
XLOC_003024	XLOC_003024	LRIT1	chr10:85991275-86001217	0	1
XLOC_003026	XLOC_003026	MIR346	chr10:87337487-88126250	0	1
XLOC_003031	XLOC_003031	LOC728218	chr10:89156330-89167457	0	1
XLOC_003034	XLOC_003034	RNLS	chr10:90033620-90343082	0	1
XLOC_003035	XLOC_003035	ANKRD22	chr10:90562486-90611732	0	1
XLOC_003038	XLOC_003038	MIR4679-2	chr10:90823091-90823168	0	1
XLOC_003039	XLOC_003039	CH25H	chr10:90965693-90967071	0	1
XLOC_003041	XLOC_003041	SLC16A12	chr10:91190050-91295313	0	1
XLOC_003043	XLOC_003043	MIR107	chr10:91339253-91405329	0	1
XLOC_003045	XLOC_003045	HTR7	chr10:92500575-92617671	0	1
XLOC_003049	XLOC_003049	PPP1R3C	chr10:93388196-93392858	0	1
XLOC_003054	XLOC_003054	RBP4	chr10:95351592-95360993	0	1
XLOC_003057	XLOC_003057	LOC100128054	chr10:95753745-96088148	0	1
XLOC_003059	XLOC_003059	CYP2C8	chr10:96796528-96829254	0	1
XLOC_003060	XLOC_003060	PDLIM1	chr10:96997324-97050905	0	1
XLOC_003065	XLOC_003065	MIR3157	chr10:97471535-97849992	0	1
XLOC_003067	XLOC_003067	OPALIN	chr10:98102974-98119092	0	1
XLOC_003078	XLOC_003078	SFRP5	chr10:99526507-99531756	0	1
XLOC_003083	XLOC_003083	MIR4685	chr10:100175954-100206704	0	1
XLOC_003084	XLOC_003084	HPSE2	chr10:100216833-100995632	0	1
XLOC_003095	XLOC_003095	PKD2L1	chr10:102047902-102090243	0	1
XLOC_003100	XLOC_003100	TLX1NB	chr10:102849077-102890903	0	1
XLOC_003101	XLOC_003101	LBX1	chr10:102986732-102988717	0	1
XLOC_003103	XLOC_003103	MIR3158-2	chr10:103348088-103369410	0	1
XLOC_003111	XLOC_003111	PITX3	chr10:103989945-104001231	0	1
XLOC_003128	XLOC_003128	MIR609	chr10:105889645-105992120	0	1
XLOC_003129	XLOC_003129	MIR4482-1	chr10:106028093-106028163	0	1
XLOC_003131	XLOC_003131	SORCS1	chr10:108333420-108924466	0	1
XLOC_003139	XLOC_003139	GUCY2GP	chr10:114067935-114116353	0	1
XLOC_003142	XLOC_003142	MIR4483	chr10:115511212-115542192	0	1
XLOC_003151	XLOC_003151	VAX1	chr10:118888031-118897812	0	1
XLOC_003152	XLOC_003152	MIR3663	chr10:118927188-118927285	0	1
XLOC_003157	XLOC_003157	PRLHR	chr10:120352915-120355160	0	1
XLOC_003160	XLOC_003160	SNORA19	chr10:120794540-120840334	0	1
XLOC_003170	XLOC_003170	C10orf120	chr10:124457224-124459338	0	1
XLOC_003177	XLOC_003177	NKX1-2	chr10:126135997-126138550	0	1
XLOC_003181	XLOC_003181	MIR4296	chr10:126676417-126849624	0	1
XLOC_003182	XLOC_003182	TEX36	chr10:127344262-127371713	0	1
XLOC_003187	XLOC_003187	ADAM12	chr10:127702901-128077127	0	1
XLOC_003188	XLOC_003188	LINC00601	chr10:128102437-128110448	0	1
XLOC_003189	XLOC_003189	C10orf90	chr10:128113573-128210010	0	1
XLOC_003191	XLOC_003191	CLRN3	chr10:129676113-129691211	0	1
XLOC_003194	XLOC_003194	MIR4297	chr10:131633495-131762091	0	1
XLOC_003196	XLOC_003196	MIR378C	chr10:132760850-132760931	0	1
XLOC_003201	XLOC_003201	NKX6-2	chr10:134598319-134599537	0	1

XLOC_003202	XLOC_003202	TTC40	chr10:134621895-134756089	0	1
XLOC_003203	XLOC_003203	MIR202	chr10:135061014-135061124	0	1
XLOC_003206	XLOC_003206	CALY	chr10:135138927-135150475	0	1
XLOC_003207	XLOC_003207	FUOM	chr10:135168657-135171529	0	1
XLOC_003209	XLOC_003209	MIR3944	chr10:135175986-135186908	0	1
XLOC_003212	XLOC_003212	FRG2B	chr10:135438602-135440299	0	1
XLOC_003213	XLOC_003213	SCGB1C1	chr11:193079-194573	0	1
XLOC_003214	XLOC_003214	ODF3	chr11:196760-200258	0	1
XLOC_003239	XLOC_003239	MUC2	chr11:1074874-1104417	0	1
XLOC_003244	XLOC_003244	KRTAP5-5	chr11:1490684-1785501	0	1
XLOC_003245	XLOC_003245	FAM99A	chr11:1490684-1785501	0	1
XLOC_003247	XLOC_003247	SYT8	chr11:1855673-1858750	0	1
XLOC_003250	XLOC_003250	TNNT3	chr11:1940798-1959936	0	1
XLOC_003252	XLOC_003252	IGF2-AS	chr11:2150341-2182439	0	1
XLOC_003253	XLOC_003253	MIR4686	chr11:2194292-2194368	0	1
XLOC_003254	XLOC_003254	TSPAN32	chr11:2323242-2339430	0	1
XLOC_003260	XLOC_003260	MRGPRG-AS1	chr11:3239173-3244361	0	1
XLOC_003268	XLOC_003268	OR52K2	chr11:4470524-4471591	0	1
XLOC_003269	XLOC_003269	OR52K1	chr11:4510108-4511138	0	1
XLOC_003270	XLOC_003270	OR52M1	chr11:4566420-4567374	0	1
XLOC_003271	XLOC_003271	OR52I2	chr11:4608020-4609135	0	1
XLOC_003273	XLOC_003273	OR51D1	chr11:4660944-4662068	0	1
XLOC_003274	XLOC_003274	OR51E1	chr11:4665155-4676716	0	1
XLOC_003275	XLOC_003275	OR51F2	chr11:4842615-4843644	0	1
XLOC_003276	XLOC_003276	OR51T1	chr11:4903048-4904113	0	1
XLOC_003277	XLOC_003277	OR51A7	chr11:4928599-4929538	0	1
XLOC_003278	XLOC_003278	MMP26	chr11:5009423-5013659	0	1
XLOC_003279	XLOC_003279	OR51L1	chr11:5020212-5021160	0	1
XLOC_003280	XLOC_003280	OR52J3	chr11:5067755-5068691	0	1
XLOC_003281	XLOC_003281	OR51B6	chr11:5362112-5526882	0	1
XLOC_003282	XLOC_003282	OR51M1	chr11:5362112-5526882	0	1
XLOC_003283	XLOC_003283	OR51Q1	chr11:5362112-5526882	0	1
XLOC_003289	XLOC_003289	OR56B1	chr11:5757677-5758768	0	1
XLOC_003290	XLOC_003290	OR52N4	chr11:5775922-5776959	0	1
XLOC_003291	XLOC_003291	OR52N2	chr11:5841565-5842531	0	1
XLOC_003292	XLOC_003292	OR52E4	chr11:5905522-5906461	0	1
XLOC_003293	XLOC_003293	OR56A3	chr11:5968576-5969524	0	1
XLOC_003295	XLOC_003295	OR52W1	chr11:6220453-6221416	0	1
XLOC_003298	XLOC_003298	CKKBR	chr11:6280903-6293357	0	1
XLOC_003303	XLOC_003303	OR2AG1	chr11:6806247-6807245	0	1
XLOC_003304	XLOC_003304	OR10A5	chr11:6866913-6867867	0	1
XLOC_003314	XLOC_003314	OR5E1P	chr11:7870597-7871118	0	1
XLOC_003316	XLOC_003316	TUB	chr11:8060179-8190590	0	1
XLOC_003322	XLOC_003322	KRT8P41	chr11:9115909-9117737	0	1
XLOC_003339	XLOC_003339	RASSF10	chr11:13030969-13033653	0	1
XLOC_003350	XLOC_003350	MYOD1	chr11:17741109-17743678	0	1
XLOC_003353	XLOC_003353	MRGPRX4	chr11:18194383-18195827	0	1
XLOC_003355	XLOC_003355	SAA1	chr11:18287807-18291523	0	1
XLOC_003364	XLOC_003364	MIR4486	chr11:19372270-20143147	0	1
XLOC_003367	XLOC_003367	SLC6A5	chr11:20620945-20676610	0	1
XLOC_003368	XLOC_003368	NELL1	chr11:20691116-21597229	0	1
XLOC_003369	XLOC_003369	ANO5	chr11:22214721-22304913	0	1
XLOC_003370	XLOC_003370	SLC17A6	chr11:22359666-22401046	0	1
XLOC_003372	XLOC_003372	LUZP2	chr11:24518515-25104186	0	1
XLOC_003373	XLOC_003373	ANO3	chr11:26353677-26684836	0	1
XLOC_003374	XLOC_003374	FIBIN	chr11:27015627-27018632	0	1
XLOC_003375	XLOC_003375	BBOX1	chr11:27062508-27149354	0	1
XLOC_003377	XLOC_003377	MIR610	chr11:28042162-28129746	0	1
XLOC_003383	XLOC_003383	DKFZp686K1684	chr11:31806339-31908587	0	1
XLOC_003385	XLOC_003385	WT1-AS	chr11:32457284-32461620	0	1
XLOC_003398	XLOC_003398	EHF	chr11:34642587-34684834	0	1
XLOC_003400	XLOC_003400	MIR1343	chr11:34903842-35017675	0	1
XLOC_003405	XLOC_003405	MIR3973	chr11:35965611-36252841	0	1
XLOC_003411	XLOC_003411	MIR670	chr11:43581205-43581303	0	1
XLOC_003412	XLOC_003412	MIR129-2	chr11:43602943-43603033	0	1
XLOC_003417	XLOC_003417	ACCSL	chr11:44069530-44081527	0	1
XLOC_003424	XLOC_003424	LOC100507384	chr11:45743857-45746106	0	1
XLOC_003432	XLOC_003432	MIR4688	chr11:46354454-46402104	0	1
XLOC_003434	XLOC_003434	MIR3160-2	chr11:46417961-46615619	0	1
XLOC_003448	XLOC_003448	OR4B1	chr11:48238361-48239291	0	1
XLOC_003449	XLOC_003449	OR4X2	chr11:48266655-48267567	0	1
XLOC_003450	XLOC_003450	OR4X1	chr11:48285412-48286330	0	1
XLOC_003451	XLOC_003451	OR4S1	chr11:48327774-48328704	0	1
XLOC_003452	XLOC_003452	OR4C3	chr11:48346492-48347482	0	1
XLOC_003453	XLOC_003453	OR4A47	chr11:48510344-48511274	0	1
XLOC_003454	XLOC_003454	TRIM49B	chr11:49053151-49059529	0	1
XLOC_003455	XLOC_003455	LOC440040	chr11:49580079-49831969	0	1
XLOC_003456	XLOC_003456	OR4C13	chr11:49973942-49974971	0	1
XLOC_003457	XLOC_003457	LOC646813	chr11:50368317-50379802	0	1

XLOC_003458	XLOC_003458	OR4C46	chr11:51515281-51516211	0	1
XLOC_003459	XLOC_003459	TRIM48	chr11:55029657-55038595	0	1
XLOC_003460	XLOC_003460	OR4A16	chr11:55110676-55111663	0	1
XLOC_003461	XLOC_003461	OR4A15	chr11:55135359-55136394	0	1
XLOC_003462	XLOC_003462	OR4C15	chr11:55321782-55322895	0	1
XLOC_003463	XLOC_003463	OR4C16	chr11:55339603-55340536	0	1
XLOC_003464	XLOC_003464	OR4P4	chr11:55405833-55406772	0	1
XLOC_003465	XLOC_003465	OR4S2	chr11:55418379-55419315	0	1
XLOC_003466	XLOC_003466	OR4C6	chr11:55432642-55433572	0	1
XLOC_003467	XLOC_003467	OR5D13	chr11:55540913-55541858	0	1
XLOC_003468	XLOC_003468	OR5D14	chr11:55563031-55563976	0	1
XLOC_003469	XLOC_003469	OR5L1	chr11:55578942-55579878	0	1
XLOC_003470	XLOC_003470	OR5D18	chr11:55587105-55588047	0	1
XLOC_003471	XLOC_003471	OR5L2	chr11:55594694-55595630	0	1
XLOC_003472	XLOC_003472	OR5D16	chr11:55606227-55607214	0	1
XLOC_003473	XLOC_003473	TRIM51	chr11:55650772-55659284	0	1
XLOC_003474	XLOC_003474	OR5AS1	chr11:55797894-55798869	0	1
XLOC_003475	XLOC_003475	OR8I2	chr11:55860783-55861716	0	1
XLOC_003476	XLOC_003476	OR8H2	chr11:55872518-55873457	0	1
XLOC_003477	XLOC_003477	OR8H3	chr11:55889848-55890787	0	1
XLOC_003478	XLOC_003478	OR5J2	chr11:55944093-55945032	0	1
XLOC_003479	XLOC_003479	OR5T3	chr11:56019675-56020698	0	1
XLOC_003480	XLOC_003480	OR5T1	chr11:56043114-56044095	0	1
XLOC_003481	XLOC_003481	OR8K3	chr11:56085782-56086721	0	1
XLOC_003482	XLOC_003482	OR8K1	chr11:56113514-56114474	0	1
XLOC_003483	XLOC_003483	OR8J1	chr11:56127690-56128764	0	1
XLOC_003484	XLOC_003484	OR8U1,OR8U8	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_003485	XLOC_003485	OR5AR1	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_003486	XLOC_003486	OR9G9	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_003487	XLOC_003487	OR5AK2	chr11:56756388-56757318	0	1
XLOC_003488	XLOC_003488	OR5AK4P	chr11:56805008-56805935	0	1
XLOC_003489	XLOC_003489	LRRC55	chr11:56949220-56959188	0	1
XLOC_003490	XLOC_003490	P2RX3	chr11:57105840-57137549	0	1
XLOC_003494	XLOC_003494	MIR130A	chr11:57408670-57408759	0	1
XLOC_003499	XLOC_003499	OR9Q1	chr11:57791352-57949038	0	1
XLOC_003500	XLOC_003500	OR6Q1	chr11:57791352-57949038	0	1
XLOC_003501	XLOC_003501	OR9Q2	chr11:57957905-57958990	0	1
XLOC_003502	XLOC_003502	OR1S1	chr11:57982216-57983194	0	1
XLOC_003504	XLOC_003504	GLYATL1	chr11:58695101-58825925	0	1
XLOC_003508	XLOC_003508	OR5AN1	chr11:59131931-59132867	0	1
XLOC_003509	XLOC_003509	OR5A1	chr11:59210641-59211589	0	1
XLOC_003510	XLOC_003510	OR4D6	chr11:59224433-59225378	0	1
XLOC_003511	XLOC_003511	OR4D10	chr11:59244902-59245838	0	1
XLOC_003512	XLOC_003512	OR4D11	chr11:59271048-59271984	0	1
XLOC_003513	XLOC_003513	OR4D9	chr11:59282385-59283330	0	1
XLOC_003516	XLOC_003516	PLAC1L	chr11:59807747-59815516	0	1
XLOC_003517	XLOC_003517	MS4A3	chr11:59824100-59838588	0	1
XLOC_003518	XLOC_003518	MS4A2	chr11:59856136-59865940	0	1
XLOC_003519	XLOC_003519	MS4A4A	chr11:60048013-60076445	0	1
XLOC_003520	XLOC_003520	MS4A6E	chr11:60102354-60108441	0	1
XLOC_003522	XLOC_003522	MS4A14	chr11:60163486-60185228	0	1
XLOC_003523	XLOC_003523	MS4A5	chr11:60197061-60215265	0	1
XLOC_003524	XLOC_003524	MS4A1	chr11:60223281-60238225	0	1
XLOC_003525	XLOC_003525	MS4A12	chr11:60260250-60274901	0	1
XLOC_003526	XLOC_003526	MS4A13	chr11:60282885-60310191	0	1
XLOC_003527	XLOC_003527	LINC00301	chr11:60383223-60454621	0	1
XLOC_003528	XLOC_003528	MS4A8B	chr11:60467046-60483285	0	1
XLOC_003529	XLOC_003529	MS4A15	chr11:60524339-60544204	0	1
XLOC_003537	XLOC_003537	PGA3	chr11:60970983-60980350	0	1
XLOC_003538	XLOC_003538	PGA4	chr11:60989820-60999179	0	1
XLOC_003539	XLOC_003539	PGA5	chr11:61008643-61018929	0	1
XLOC_003545	XLOC_003545	MIR4488	chr11:61276067-61276129	0	1
XLOC_003546	XLOC_003546	LRRC10B	chr11:61276271-61278490	0	1
XLOC_003554	XLOC_003554	SCGB1D1	chr11:61957709-61961009	0	1
XLOC_003555	XLOC_003555	SCGB2A1	chr11:61976139-61981411	0	1
XLOC_003556	XLOC_003556	SCGB1D2	chr11:62009723-62012280	0	1
XLOC_003557	XLOC_003557	SCGB2A2	chr11:62037629-62040628	0	1
XLOC_003559	XLOC_003559	SCGB1A1	chr11:62186506-62190678	0	1
XLOC_003572	XLOC_003572	LGALS12	chr11:63014620-63330855	0	1
XLOC_003595	XLOC_003595	MIR1237	chr11:64126624-64139687	0	1
XLOC_003598	XLOC_003598	SLC22A12	chr11:64358281-64369825	0	1
XLOC_003605	XLOC_003605	SPDYC	chr11:64937706-64940688	0	1
XLOC_003616	XLOC_003616	MIR548AR	chr11:65282807-65282828	0	1
XLOC_003622	XLOC_003622	MIR4690	chr11:65383782-65404910	0	1
XLOC_003624	XLOC_003624	MIR4489	chr11:65405577-65418391	0	1
XLOC_003642	XLOC_003642	NPAS4	chr11:66188474-66194177	0	1
XLOC_003669	XLOC_003669	MIR4691	chr11:67798083-67804114	0	1
XLOC_003678	XLOC_003678	ANO1	chr11:69924407-70035652	0	1
XLOC_003681	XLOC_003681	MIR548K	chr11:70116805-70230607	0	1

XLOC_003691	XLOC_003691	DEFB108B	chr11:71544245-71548608	0	1
XLOC_003697	XLOC_003697	FOLR1	chr11:71900601-71907367	0	1
XLOC_003698	XLOC_003698	FOLR2	chr11:71927818-71932994	0	1
XLOC_003700	XLOC_003700	MIR4692	chr11:72465773-72504750	0	1
XLOC_003715	XLOC_003715	SLCO2B1	chr11:74862031-74917445	0	1
XLOC_003716	XLOC_003716	TPBGL	chr11:74951949-74954749	0	1
XLOC_003721	XLOC_003721	MOGAT2	chr11:75428933-75442331	0	1
XLOC_003729	XLOC_003729	OMP	chr11:76777991-76837198	0	1
XLOC_003733	XLOC_003733	THRSP	chr11:77726760-77850699	0	1
XLOC_003741	XLOC_003741	CCDC83	chr11:85566143-85631051	0	1
XLOC_003748	XLOC_003748	GRM5-AS1	chr11:88237743-88796816	0	1
XLOC_003749	XLOC_003749	TYR	chr11:88911039-89028927	0	1
XLOC_003750	XLOC_003750	FOLH1B	chr11:89392464-89431886	0	1
XLOC_003751	XLOC_003751	TRIM77	chr11:89443466-89451040	0	1
XLOC_003752	XLOC_003752	MIR5692A1	chr11:89570045-89673722	0	1
XLOC_003753	XLOC_003753	TRIM53AP	chr11:89570045-89673722	0	1
XLOC_003754	XLOC_003754	TRIM49D1P,TRIM49D2P	chr11:89570045-89673722	0	1
XLOC_003755	XLOC_003755	TRIM64	chr11:89701671-89707240	0	1
XLOC_003756	XLOC_003756	TRIM49C	chr11:89764273-89775193	0	1
XLOC_003757	XLOC_003757	UBTFL1	chr11:89819117-89820299	0	1
XLOC_003760	XLOC_003760	MTNR1B	chr11:92702788-92715948	0	1
XLOC_003761	XLOC_003761	CCDC67	chr11:93063882-93171636	0	1
XLOC_003770	XLOC_003770	LOC643037	chr11:94245694-94265289	0	1
XLOC_003775	XLOC_003775	KDM4E	chr11:94758421-94760760	0	1
XLOC_003779	XLOC_003779	MIR1260B	chr11:95711439-96076344	0	1
XLOC_003781	XLOC_003781	CNTN5	chr11:98891705-100229616	0	1
XLOC_003784	XLOC_003784	LOC101054525	chr11:100900354-101030001	0	1
XLOC_003790	XLOC_003790	WTAPP1	chr11:102654406-102714342	0	1
XLOC_003792	XLOC_003792	MIR4693	chr11:103720633-103720708	0	1
XLOC_003793	XLOC_003793	DDI1	chr11:103777913-104035027	0	1
XLOC_003797	XLOC_003797	LOC643923	chr11:107461816-107537505	0	1
XLOC_003798	XLOC_003798	RAB39A	chr11:107799276-107834208	0	1
XLOC_003803	XLOC_003803	C11orf87	chr11:109292845-109299893	0	1
XLOC_003808	XLOC_003808	MIR4491	chr11:111218481-111218547	0	1
XLOC_003809	XLOC_003809	MIR34B	chr11:111383662-111383746	0	1
XLOC_003810	XLOC_003810	MIR34C	chr11:111384163-111384240	0	1
XLOC_003811	XLOC_003811	C11orf88	chr11:111385509-111407756	0	1
XLOC_003812	XLOC_003812	LAYN	chr11:111411232-111432470	0	1
XLOC_003826	XLOC_003826	CLDN25	chr11:113650517-113651207	0	1
XLOC_003827	XLOC_003827	HTR3B	chr11:113775517-113817283	0	1
XLOC_003828	XLOC_003828	HTR3A	chr11:113845796-113861034	0	1
XLOC_003829	XLOC_003829	ZBTB16	chr11:113930430-114121397	0	1
XLOC_003833	XLOC_003833	NXPE2	chr11:114549199-114577652	0	1
XLOC_003834	XLOC_003834	APOC3	chr11:116700623-116703787	0	1
XLOC_003842	XLOC_003842	TMPRSS4	chr11:117886486-117990556	0	1
XLOC_003843	XLOC_003843	CD3E	chr11:118175294-118186890	0	1
XLOC_003853	XLOC_003853	MIR4492	chr11:118754474-118781613	0	1
XLOC_003855	XLOC_003855	FOXR1	chr11:118842416-118851995	0	1
XLOC_003876	XLOC_003876	SORL1	chr11:121322911-121504471	0	1
XLOC_003880	XLOC_003880	LOC341056	chr11:122888273-122890319	0	1
XLOC_003882	XLOC_003882	OR8D4	chr11:123777138-123778083	0	1
XLOC_003883	XLOC_003883	OR4D5	chr11:123810323-123811280	0	1
XLOC_003884	XLOC_003884	OR10G4	chr11:123886281-123887217	0	1
XLOC_003885	XLOC_003885	OR10G9	chr11:123893719-123894655	0	1
XLOC_003886	XLOC_003886	OR10G8	chr11:123900329-123901265	0	1
XLOC_003888	XLOC_003888	OR8G2	chr11:124095397-124096312	0	1
XLOC_003889	XLOC_003889	OR8G1,OR8G5	chr11:124120422-124135763	0	1
XLOC_003890	XLOC_003890	OR8A1	chr11:124439964-124440945	0	1
XLOC_003896	XLOC_003896	HEPN1	chr11:124789145-124806308	0	1
XLOC_003899	XLOC_003899	PKNOX2	chr11:125034558-125303285	0	1
XLOC_003903	XLOC_003903	PATE1	chr11:125616187-125619743	0	1
XLOC_003904	XLOC_003904	PATE3	chr11:125658005-125661495	0	1
XLOC_003905	XLOC_003905	PATE4	chr11:125703210-125709967	0	1
XLOC_003913	XLOC_003913	KIRREL3-AS2	chr11:126293395-126870766	0	1
XLOC_003914	XLOC_003914	KIRREL3-AS3	chr11:126872804-126875953	0	1
XLOC_003923	XLOC_003923	C11orf44	chr11:130542850-130587247	0	1
XLOC_003943	XLOC_003943	MIR210	chr11:5656566-568457	0	1
XLOC_003961	XLOC_003961	KRTAP5-3	chr11:1490684-1785501	0	1
XLOC_003962	XLOC_003962	KRTAP5-4	chr11:1490684-1785501	0	1
XLOC_003963	XLOC_003963	FAM99B	chr11:1490684-1785501	0	1
XLOC_003966	XLOC_003966	MIR4298	chr11:1874199-1913493	0	1
XLOC_003970	XLOC_003970	MIR483	chr11:2150341-2182439	0	1
XLOC_003971	XLOC_003971	TH	chr11:2185158-2193035	0	1
XLOC_003972	XLOC_003972	ASCL2	chr11:2289727-2292182	0	1
XLOC_003973	XLOC_003973	C11orf21	chr11:2317506-2323143	0	1
XLOC_003983	XLOC_003983	MRGPRG	chr11:3239173-3244361	0	1
XLOC_003984	XLOC_003984	MRGPRE	chr11:3249040-3253616	0	1
XLOC_003991	XLOC_003991	OR52B4	chr11:4388492-4389616	0	1
XLOC_003993	XLOC_003993	C11orf40	chr11:4592652-4599050	0	1

XLOC_003995	XLOC_003995	OR51E2	chr11:4701400-4719076	0	1
XLOC_003996	XLOC_003996	OR51F1	chr11:4790208-4791147	0	1
XLOC_003997	XLOC_003997	OR52R1	chr11:4824662-4825610	0	1
XLOC_003998	XLOC_003998	OR51S1	chr11:4869466-4870438	0	1
XLOC_003999	XLOC_003999	OR51G2	chr11:4935948-4936893	0	1
XLOC_004000	XLOC_004000	OR51G1	chr11:4944603-4945569	0	1
XLOC_004001	XLOC_004001	OR51A4	chr11:4967388-4968330	0	1
XLOC_004002	XLOC_004002	OR51A2	chr11:4976001-4976943	0	1
XLOC_004003	XLOC_004003	OR52E2	chr11:5079879-5080857	0	1
XLOC_004004	XLOC_004004	OR52A5	chr11:5152921-5153872	0	1
XLOC_004005	XLOC_004005	OR52A1	chr11:5172660-5173599	0	1
XLOC_004006	XLOC_004006	OR51V1	chr11:5220964-5221930	0	1
XLOC_004014	XLOC_004014	OR51B2	chr11:5344527-5345582	0	1
XLOC_004016	XLOC_004016	OR51I1	chr11:5362112-5526882	0	1
XLOC_004017	XLOC_004017	UBQLN3	chr11:5528529-5531153	0	1
XLOC_004019	XLOC_004019	OR52H1	chr11:5565790-5566753	0	1
XLOC_004021	XLOC_004021	OR52N5	chr11:5798863-5799897	0	1
XLOC_004022	XLOC_004022	OR52N1	chr11:5809083-5810046	0	1
XLOC_004023	XLOC_004023	OR52E6	chr11:5862185-5863127	0	1
XLOC_004024	XLOC_004024	OR52E8	chr11:5877978-5878932	0	1
XLOC_004025	XLOC_004025	OR56A5	chr11:5988782-5989724	0	1
XLOC_004026	XLOC_004026	OR52L1	chr11:6007121-6008215	0	1
XLOC_004027	XLOC_004027	OR56A4	chr11:6023280-6024378	0	1
XLOC_004028	XLOC_004028	OR56A1	chr11:6047900-6048971	0	1
XLOC_004029	XLOC_004029	OR52B2	chr11:6190584-6191556	0	1
XLOC_004046	XLOC_004046	CYB5R2	chr11:7686325-7694821	0	1
XLOC_004047	XLOC_004047	OVCH2	chr11:7710668-7727941	0	1
XLOC_004048	XLOC_004048	OR5P2	chr11:7817520-7818489	0	1
XLOC_004049	XLOC_004049	OR5P3	chr11:7846583-7847519	0	1
XLOC_004051	XLOC_004051	OR10A6	chr11:7949264-7950209	0	1
XLOC_004052	XLOC_004052	OR10A3	chr11:7960122-7961067	0	1
XLOC_004053	XLOC_004053	NLRP10	chr11:7981155-7985059	0	1
XLOC_004054	XLOC_004054	RIC3	chr11:8060179-8190590	0	1
XLOC_004055	XLOC_004055	LMO1	chr11:8245850-8290182	0	1
XLOC_004064	XLOC_004064	MIR5691	chr11:9041046-9113150	0	1
XLOC_004072	XLOC_004072	LYVE1	chr11:10562782-10715535	0	1
XLOC_004073	XLOC_004073	MRV11	chr11:10562782-10715535	0	1
XLOC_004079	XLOC_004079	MIR4299	chr11:11678197-11678269	0	1
XLOC_004083	XLOC_004083	PTH	chr11:13513600-13517567	0	1
XLOC_004088	XLOC_004088	CALCA	chr11:14988214-14993832	0	1
XLOC_004094	XLOC_004094	ABCC8	chr11:17414431-17498449	0	1
XLOC_004099	XLOC_004099	SAA3P	chr11:18134018-18137679	0	1
XLOC_004100	XLOC_004100	SAA2, SAA2-SAA4, SAA4	chr11:18252901-18270221	0	1
XLOC_004107	XLOC_004107	MRGPRX1	chr11:18955359-18956549	0	1
XLOC_004108	XLOC_004108	MRGPRX2	chr11:19076002-19082228	0	1
XLOC_004109	XLOC_004109	CSRP3	chr11:19203576-19232118	0	1
XLOC_004111	XLOC_004111	NAV2-AS5	chr11:19372270-20143147	0	1
XLOC_004112	XLOC_004112	NAV2-AS4	chr11:19372270-20143147	0	1
XLOC_004114	XLOC_004114	MIR4694	chr11:19372270-20143147	0	1
XLOC_004115	XLOC_004115	DBX1	chr11:20177759-20181870	0	1
XLOC_004118	XLOC_004118	CCDC179	chr11:22868467-22881972	0	1
XLOC_004126	XLOC_004126	KCNA4	chr11:30031287-30038577	0	1
XLOC_004127	XLOC_004127	MPPED2	chr11:30406039-30607930	0	1
XLOC_004132	XLOC_004132	WT1	chr11:32409321-32457081	0	1
XLOC_004142	XLOC_004142	SLC1A2	chr11:35272751-35441610	0	1
XLOC_004147	XLOC_004147	LRRC4C	chr11:40135750-41481186	0	1
XLOC_004148	XLOC_004148	LOC100507205	chr11:42209292-42275240	0	1
XLOC_004149	XLOC_004149	HNRNP KP3	chr11:43283053-43290919	0	1
XLOC_004154	XLOC_004154	CHST1	chr11:45669238-45687206	0	1
XLOC_004155	XLOC_004155	C11orf94	chr11:45928085-45928833	0	1
XLOC_004160	XLOC_004160	MIR3160-1	chr11:46417961-46615619	0	1
XLOC_004164	XLOC_004164	MIR5582	chr11:46765083-46867859	0	1
XLOC_004165	XLOC_004165	SNORD67	chr11:46765083-46867859	0	1
XLOC_004181	XLOC_004181	OR4C45	chr11:48366899-48373999	0	1
XLOC_004182	XLOC_004182	TRIM64C	chr11:49075265-49080664	0	1
XLOC_004183	XLOC_004183	FOLH1	chr11:49168186-49230222	0	1
XLOC_004184	XLOC_004184	OR4C12	chr11:50003008-50004071	0	1
XLOC_004185	XLOC_004185	LOC441601	chr11:50238998-50257633	0	1
XLOC_004186	XLOC_004186	OR4A5	chr11:51411377-51412448	0	1
XLOC_004187	XLOC_004187	TRIM51HP	chr11:55061178-55065708	0	1
XLOC_004188	XLOC_004188	OR4C11	chr11:55370829-55371874	0	1
XLOC_004189	XLOC_004189	OR5W2	chr11:55681125-55682058	0	1
XLOC_004190	XLOC_004190	OR5I1	chr11:55702931-55703876	0	1
XLOC_004191	XLOC_004191	OR10AG1	chr11:55735033-55735939	0	1
XLOC_004192	XLOC_004192	OR7ESP	chr11:55746178-55753881	0	1
XLOC_004193	XLOC_004193	OR5F1	chr11:55761156-55762101	0	1
XLOC_004194	XLOC_004194	OR8J3	chr11:55904246-55905194	0	1
XLOC_004195	XLOC_004195	OR8K5	chr11:55926869-55927793	0	1
XLOC_004196	XLOC_004196	OR5T2	chr11:55995581-56000661	0	1

XLOC_004197	XLOC_004197	OR8H1	chr11:56057602-56058538	0	1
XLOC_004198	XLOC_004198	OR5R1	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_004199	XLOC_004199	OR5M9	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_004200	XLOC_004200	OR5M3	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_004201	XLOC_004201	OR5M8	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_004202	XLOC_004202	OR5M11	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_004203	XLOC_004203	OR5M10	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_004204	XLOC_004204	OR5M1	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_004205	XLOC_004205	OR5AP2	chr11:56143099-56508560	0	1
XLOC_004206	XLOC_004206	OR9G4	chr11:56510303-56511287	0	1
XLOC_004207	XLOC_004207	APLNR	chr11:57001051-57004927	0	1
XLOC_004210	XLOC_004210	PRG3	chr11:57144241-57148623	0	1
XLOC_004219	XLOC_004219	OR9I1	chr11:57791352-57949038	0	1
XLOC_004220	XLOC_004220	OR1S2	chr11:57970675-57971653	0	1
XLOC_004221	XLOC_004221	OR10Q1	chr11:57995353-57996390	0	1
XLOC_004222	XLOC_004222	OR10W1	chr11:58034263-58035732	0	1
XLOC_004223	XLOC_004223	OR5B17	chr11:58125597-58126542	0	1
XLOC_004224	XLOC_004224	OR5B3	chr11:58169937-58170882	0	1
XLOC_004225	XLOC_004225	OR5B2	chr11:58189737-58190786	0	1
XLOC_004226	XLOC_004226	OR5B12	chr11:58206592-58207646	0	1
XLOC_004227	XLOC_004227	OR5B21	chr11:58274648-58275578	0	1
XLOC_004229	XLOC_004229	GLYAT	chr11:58476229-58499447	0	1
XLOC_004230	XLOC_004230	GLYATL2	chr11:58601539-58611997	0	1
XLOC_004231	XLOC_004231	LOC283194	chr11:58695101-58825925	0	1
XLOC_004232	XLOC_004232	MPEG1	chr11:58939811-58980494	0	1
XLOC_004233	XLOC_004233	OR5A2	chr11:59189451-59190426	0	1
XLOC_004235	XLOC_004235	MIR3162	chr11:59341870-59383617	0	1
XLOC_004237	XLOC_004237	OR10V1	chr11:59480388-59481318	0	1
XLOC_004239	XLOC_004239	GIF	chr11:59596745-59612974	0	1
XLOC_004240	XLOC_004240	TCN1	chr11:59620280-59634041	0	1
XLOC_004241	XLOC_004241	MS4A6A	chr11:59939079-59952139	0	1
XLOC_004254	XLOC_004254	MIR1908	chr11:61567096-61584529	0	1
XLOC_004258	XLOC_004258	SCGB1D4	chr11:62063753-62066536	0	1
XLOC_004279	XLOC_004279	SNORD30	chr11:62619459-62623360	0	1
XLOC_004281	XLOC_004281	SNORD28	chr11:62619459-62623360	0	1
XLOC_004282	XLOC_004282	SNORD27	chr11:62619459-62623360	0	1
XLOC_004283	XLOC_004283	SNORD26	chr11:62619459-62623360	0	1
XLOC_004284	XLOC_004284	SNORD25	chr11:62619459-62623360	0	1
XLOC_004286	XLOC_004286	SLC22A6	chr11:62744068-62752495	0	1
XLOC_004287	XLOC_004287	SLC22A8	chr11:62760295-62783317	0	1
XLOC_004288	XLOC_004288	SLC22A24	chr11:62847411-62911693	0	1
XLOC_004289	XLOC_004289	SLC22A25	chr11:62931295-62997124	0	1
XLOC_004290	XLOC_004290	MIR3680-2	chr11:63014620-63330855	0	1
XLOC_004291	XLOC_004291	HRASLS5	chr11:63014620-63330855	0	1
XLOC_004310	XLOC_004310	MIR192	chr11:64658608-64658718	0	1
XLOC_004311	XLOC_004311	MIR194-2	chr11:64658826-64658911	0	1
XLOC_004313	XLOC_004313	GPHA2	chr11:64692142-64703360	0	1
XLOC_004314	XLOC_004314	C11orf85	chr11:64705928-64727609	0	1
XLOC_004339	XLOC_004339	CD248	chr11:66081957-66084515	0	1
XLOC_004346	XLOC_004346	CTSF	chr11:66330934-66336047	0	1
XLOC_004356	XLOC_004356	GPR152	chr11:67218771-67220200	0	1
XLOC_004360	XLOC_004360	CABP2	chr11:67286417-67290899	0	1
XLOC_004365	XLOC_004365	ALDH3B2	chr11:67429632-67448685	0	1
XLOC_004375	XLOC_004375	MRGPRF	chr11:68771861-68780850	0	1
XLOC_004377	XLOC_004377	FGF19	chr11:69513005-69519106	0	1
XLOC_004378	XLOC_004378	FGF4	chr11:69587796-69590171	0	1
XLOC_004379	XLOC_004379	FGF3	chr11:69624735-69634192	0	1
XLOC_004381	XLOC_004381	MIR3664	chr11:70313960-70935808	0	1
XLOC_004384	XLOC_004384	KRTAP5-11	chr11:71292900-71293921	0	1
XLOC_004388	XLOC_004388	MIR3165	chr11:71709957-71823822	0	1
XLOC_004394	XLOC_004394	MIR139	chr11:72287183-72385497	0	1
XLOC_004406	XLOC_004406	KCNE3	chr11:74165885-74178600	0	1
XLOC_004408	XLOC_004408	CHRD12	chr11:74407473-74442186	0	1
XLOC_004409	XLOC_004409	MIR4696	chr11:74407473-74442186	0	1
XLOC_004411	XLOC_004411	OR2AT4	chr11:74799795-74800758	0	1
XLOC_004413	XLOC_004413	MIR326	chr11:74971165-75062875	0	1
XLOC_004417	XLOC_004417	LOC283214	chr11:75469499-75479692	0	1
XLOC_004420	XLOC_004420	LRRC32	chr11:76368567-76381791	0	1
XLOC_004421	XLOC_004421	GUCY2EP	chr11:76391209-76432833	0	1
XLOC_004422	XLOC_004422	GDPD4	chr11:76927602-76998463	0	1
XLOC_004428	XLOC_004428	RNU6-83	chr11:77726760-77850699	0	1
XLOC_004434	XLOC_004434	MIR708	chr11:78364327-79151695	0	1
XLOC_004435	XLOC_004435	MIR5579	chr11:78364327-79151695	0	1
XLOC_004436	XLOC_004436	MIR4300	chr11:81601782-81601878	0	1
XLOC_004437	XLOC_004437	FAM181B	chr11:82443045-82444906	0	1
XLOC_004440	XLOC_004440	SNORA70E	chr11:82692477-82782884	0	1
XLOC_004444	XLOC_004444	CCDC89	chr11:85394892-85397320	0	1
XLOC_004448	XLOC_004448	OR7E2P	chr11:86567972-86568996	0	1
XLOC_004452	XLOC_004452	GRM5	chr11:88237743-88796816	0	1

XLOC_004454	XLOC_004454	TRIM49	chr11:89530822-89541743	0	1
XLOC_004455	XLOC_004455	TRIM64B	chr11:89570045-89673722	0	1
XLOC_004456	XLOC_004456	TRIM49D1P,TRIM49D2P	chr11:89570045-89673722	0	1
XLOC_004457	XLOC_004457	TRIM53AP	chr11:89726708-89735676	0	1
XLOC_004459	XLOC_004459	MIR4490	chr11:90288941-90289025	0	1
XLOC_004467	XLOC_004467	SNORD5	chr11:93466393-93466466	0	1
XLOC_004469	XLOC_004469	MIR1304	chr11:93466839-93466930	0	1
XLOC_004481	XLOC_004481	JRKL-AS1	chr11:96176445-96240041	0	1
XLOC_004482	XLOC_004482	PGR	chr11:100900354-101030001	0	1
XLOC_004484	XLOC_004484	MIR3920	chr11:101322294-101454659	0	1
XLOC_004488	XLOC_004488	MMP20	chr11:102447565-102496063	0	1
XLOC_004489	XLOC_004489	MMP27	chr11:102562414-102576468	0	1
XLOC_004490	XLOC_004490	MMP8	chr11:102582525-102595685	0	1
XLOC_004494	XLOC_004494	MMP12	chr11:102733463-102745764	0	1
XLOC_004495	XLOC_004495	MMP13	chr11:102813720-102826463	0	1
XLOC_004497	XLOC_004497	PDGFD	chr11:103777913-104035027	0	1
XLOC_004498	XLOC_004498	CASP12	chr11:104756444-104769397	0	1
XLOC_004499	XLOC_004499	LOC643733	chr11:104772275-104788902	0	1
XLOC_004504	XLOC_004504	CARD17	chr11:104963195-104972158	0	1
XLOC_004505	XLOC_004505	CARD18	chr11:105008447-105010461	0	1
XLOC_004518	XLOC_004518	ARHGAP20	chr11:10447758-110583912	0	1
XLOC_004521	XLOC_004521	LOC100132078	chr11:111284966-111288911	0	1
XLOC_004522	XLOC_004522	BTG4	chr11:111338255-111383079	0	1
XLOC_004529	XLOC_004529	IL18	chr11:112013973-112034840	0	1
XLOC_004531	XLOC_004531	LOC100288346	chr11:112831968-113149158	0	1
XLOC_004532	XLOC_004532	DRD2	chr11:113280316-113346001	0	1
XLOC_004533	XLOC_004533	MIR4301	chr11:113280316-113346001	0	1
XLOC_004538	XLOC_004538	NXPE1	chr11:114392436-114430580	0	1
XLOC_004539	XLOC_004539	NXPE4	chr11:114441312-114466484	0	1
XLOC_004541	XLOC_004541	LOC283143	chr11:115626050-115630918	0	1
XLOC_004544	XLOC_004544	APOA5	chr11:116660085-116663136	0	1
XLOC_004545	XLOC_004545	APOA4	chr11:116691417-116694011	0	1
XLOC_004551	XLOC_004551	DSCAML1	chr11:117298488-117667976	0	1
XLOC_004552	XLOC_004552	FXYD2,FXYD6,FXYD6-FXYD2	chr11:117690789-117748201	0	1
XLOC_004554	XLOC_004554	TMPRSS4-AS1	chr11:117886486-117990556	0	1
XLOC_004574	XLOC_004574	MFRP	chr11:119209651-119217383	0	1
XLOC_004578	XLOC_004578	TRIM29	chr11:119981993-120008863	0	1
XLOC_004579	XLOC_004579	LOC649133	chr11:120107348-120190653	0	1
XLOC_004581	XLOC_004581	MIR125B1	chr11:121959810-122073770	0	1
XLOC_004582	XLOC_004582	BLID	chr11:121959810-122073770	0	1
XLOC_004583	XLOC_004583	MIRLET7A2	chr11:121959810-122073770	0	1
XLOC_004584	XLOC_004584	MIR100	chr11:121959810-122073770	0	1
XLOC_004585	XLOC_004585	BSX	chr11:122848356-122852379	0	1
XLOC_004588	XLOC_004588	MIR4493	chr11:123252147-123252220	0	1
XLOC_004591	XLOC_004591	OR6X1	chr11:123624287-123625226	0	1
XLOC_004592	XLOC_004592	OR6M1	chr11:123676115-123677057	0	1
XLOC_004593	XLOC_004593	TMEM225	chr11:123753632-123756340	0	1
XLOC_004594	XLOC_004594	OR6T1	chr11:123813573-123814545	0	1
XLOC_004595	XLOC_004595	OR10S1	chr11:123847402-123848398	0	1
XLOC_004596	XLOC_004596	OR10G7	chr11:123908772-123909708	0	1
XLOC_004597	XLOC_004597	OR8D1	chr11:124179735-124180662	0	1
XLOC_004598	XLOC_004598	OR8D2	chr11:124189157-124190093	0	1
XLOC_004599	XLOC_004599	OR8B2	chr11:124252297-124253239	0	1
XLOC_004600	XLOC_004600	OR8B3	chr11:124266305-124267247	0	1
XLOC_004601	XLOC_004601	OR8B4	chr11:124293837-124294767	0	1
XLOC_004602	XLOC_004602	OR8B8	chr11:124310045-124310981	0	1
XLOC_004603	XLOC_004603	OR8B12	chr11:124412617-124413550	0	1
XLOC_004620	XLOC_004620	MIR3167	chr11:126293395-126870766	0	1
XLOC_004622	XLOC_004622	FLI1-AS1	chr11:128556429-128683162	0	1
XLOC_004633	XLOC_004633	SPATA19	chr11:133710516-133715392	0	1
XLOC_004640	XLOC_004640	IQSEC3	chr12:176048-287625	0	1
XLOC_004650	XLOC_004650	CACNA1C-IT3	chr12:2162415-2807115	0	1
XLOC_004666	XLOC_004666	KCNA1	chr12:5019072-5027422	0	1
XLOC_004667	XLOC_004667	KCNA5	chr12:5153084-5155954	0	1
XLOC_004668	XLOC_004668	NTF3	chr12:5541279-5604465	0	1
XLOC_004693	XLOC_004693	MIR200C	chr12:7072861-7072929	0	1
XLOC_004694	XLOC_004694	MIR141	chr12:7073259-7073354	0	1
XLOC_004700	XLOC_004700	ACSM4	chr12:7456927-7480969	0	1
XLOC_004701	XLOC_004701	DPPA3	chr12:7864088-7870152	0	1
XLOC_004702	XLOC_004702	NANOGNB	chr12:7917811-7926717	0	1
XLOC_004709	XLOC_004709	CLEC6A	chr12:8608590-8630926	0	1
XLOC_004720	XLOC_004720	KLRF1	chr12:9980076-9997603	0	1
XLOC_004721	XLOC_004721	KLRF2	chr12:10034087-10048432	0	1
XLOC_004722	XLOC_004722	CLEC12A	chr12:10103914-10138194	0	1
XLOC_004723	XLOC_004723	CLEC12B	chr12:10163230-10171399	0	1
XLOC_004724	XLOC_004724	CLEC9A	chr12:10183275-10218565	0	1
XLOC_004725	XLOC_004725	TMEM52B	chr12:10331556-10344403	0	1
XLOC_004727	XLOC_004727	KLRD1	chr12:10457049-10469850	0	1
XLOC_004733	XLOC_004733	MIR1244-2	chr12:12264885-12264967	0	1

XLOC_004738	XLOC_004738	MIR613	chr12:12878850-12944399	0	1
XLOC_004742	XLOC_004742	MIR614	chr12:13068762-13068852	0	1
XLOC_004748	XLOC_004748	H2AFJ	chr12:14927269-14930936	0	1
XLOC_004750	XLOC_004750	PDE6H	chr12:15125955-15134799	0	1
XLOC_004751	XLOC_004751	PTPRO	chr12:15475190-15751265	0	1
XLOC_004755	XLOC_004755	SKP1P2	chr12:17141680-17143562	0	1
XLOC_004756	XLOC_004756	MIR3974	chr12:17826232-17826328	0	1
XLOC_004757	XLOC_004757	PIK3C2G	chr12:18414473-18801352	0	1
XLOC_004758	XLOC_004758	CAPZA3	chr12:18891044-18892122	0	1
XLOC_004761	XLOC_004761	LOC100506393	chr12:20167618-20251802	0	1
XLOC_004762	XLOC_004762	PDE3A	chr12:20522178-20837041	0	1
XLOC_004773	XLOC_004773	MIR920	chr12:23685230-24715383	0	1
XLOC_004774	XLOC_004774	LRMP	chr12:25205180-25348094	0	1
XLOC_004789	XLOC_004789	LOC101055625	chr12:29542226-29650619	0	1
XLOC_004802	XLOC_004802	C12orf40	chr12:40019971-40115720	0	1
XLOC_004803	XLOC_004803	LRRK2	chr12:40618812-40763086	0	1
XLOC_004804	XLOC_004804	CNTN1	chr12:41086243-41466213	0	1
XLOC_004811	XLOC_004811	MIR4698	chr12:47581594-47581674	0	1
XLOC_004816	XLOC_004816	C12orf68	chr12:48577365-48579709	0	1
XLOC_004818	XLOC_004818	ANP32D	chr12:48866447-48866843	0	1
XLOC_004819	XLOC_004819	C12orf54	chr12:48876285-48890297	0	1
XLOC_004824	XLOC_004824	WNT1	chr12:49372235-49376396	0	1
XLOC_004835	XLOC_004835	AQP2	chr12:50344523-50352664	0	1
XLOC_004836	XLOC_004836	AQP5	chr12:50355278-50359465	0	1
XLOC_004845	XLOC_004845	TMPRSS12	chr12:51236700-51281663	0	1
XLOC_004847	XLOC_004847	HIGD1C	chr12:51347781-51364289	0	1
XLOC_004852	XLOC_004852	ANKRD33	chr12:52281792-52285505	0	1
XLOC_004878	XLOC_004878	HOXC12	chr12:54348713-54350350	0	1
XLOC_004881	XLOC_004881	MIR196A2	chr12:54385521-54385631	0	1
XLOC_004885	XLOC_004885	MIR615	chr12:54410641-54449814	0	1
XLOC_004891	XLOC_004891	MIR148B	chr12:54718873-54745635	0	1
XLOC_004894	XLOC_004894	MUCL1	chr12:55248298-55252174	0	1
XLOC_004895	XLOC_004895	NEUROD4	chr12:55413728-55423801	0	1
XLOC_004896	XLOC_004896	OR9K2	chr12:55523552-55524560	0	1
XLOC_004897	XLOC_004897	OR10A7	chr12:55614808-55615759	0	1
XLOC_004898	XLOC_004898	OR6C74	chr12:55641071-55642010	0	1
XLOC_004899	XLOC_004899	OR6C1	chr12:55714383-55715322	0	1
XLOC_004900	XLOC_004900	OR6C3	chr12:55725484-55726420	0	1
XLOC_004901	XLOC_004901	OR6C75	chr12:55758894-55759833	0	1
XLOC_004902	XLOC_004902	OR6C65	chr12:55794312-55795251	0	1
XLOC_004903	XLOC_004903	OR6C76	chr12:55820037-55820976	0	1
XLOC_004904	XLOC_004904	OR6C2	chr12:55845997-55846936	0	1
XLOC_004905	XLOC_004905	OR6C68	chr12:55886161-55887100	0	1
XLOC_004906	XLOC_004906	OR6C4	chr12:55945010-55945940	0	1
XLOC_004907	XLOC_004907	OR2AP1	chr12:55968198-55969128	0	1
XLOC_004908	XLOC_004908	OR10P1	chr12:56030675-56031617	0	1
XLOC_004937	XLOC_004937	MIR1228	chr12:57522281-57607125	0	1
XLOC_004947	XLOC_004947	DTX3	chr12:57998603-58003583	0	1
XLOC_004949	XLOC_004949	SLC26A10	chr12:58013692-58027022	0	1
XLOC_004960	XLOC_004960	MIRLET7I	chr12:62997465-62997549	0	1
XLOC_004966	XLOC_004966	MIR548C	chr12:65004292-65091347	0	1
XLOC_004968	XLOC_004968	FLJ41278	chr12:65277553-65371302	0	1
XLOC_004984	XLOC_004984	MIR3913-2	chr12:69978501-69978603	0	1
XLOC_004994	XLOC_004994	TPH2	chr12:72332625-72426221	0	1
XLOC_004995	XLOC_004995	TRHDE	chr12:72647286-73059422	0	1
XLOC_005003	XLOC_005003	MIR1252	chr12:79257772-79845788	0	1
XLOC_005004	XLOC_005004	MIR5692B	chr12:79850650-79852440	0	1
XLOC_005006	XLOC_005006	PTPRQ	chr12:80838125-81073968	0	1
XLOC_005007	XLOC_005007	MYF6	chr12:81101407-81103256	0	1
XLOC_005008	XLOC_005008	MYF5	chr12:81110707-81113447	0	1
XLOC_005009	XLOC_005009	ACSS3	chr12:81471808-81649582	0	1
XLOC_005010	XLOC_005010	MIR4699	chr12:81471808-81649582	0	1
XLOC_005013	XLOC_005013	LRRIQ1	chr12:85430098-85638883	0	1
XLOC_005014	XLOC_005014	ALX1	chr12:85674035-85695561	0	1
XLOC_005015	XLOC_005015	NTS	chr12:86268072-86276770	0	1
XLOC_005019	XLOC_005019	LINC00615	chr12:91311799-91342446	0	1
XLOC_005020	XLOC_005020	CLUU1	chr12:92813869-92824778	0	1
XLOC_005021	XLOC_005021	C12orf74	chr12:93096618-93102325	0	1
XLOC_005029	XLOC_005029	MIR5700	chr12:94955564-94955635	0	1
XLOC_005030	XLOC_005030	KRT19P2,MIR492	chr12:95228173-95228804	0	1
XLOC_005032	XLOC_005032	MIR331	chr12:95702195-95702289	0	1
XLOC_005033	XLOC_005033	MIR3685	chr12:95703698-95703760	0	1
XLOC_005035	XLOC_005035	PGAM1P5	chr12:96043030-96184536	0	1
XLOC_005040	XLOC_005040	RMST	chr12:97858798-97927544	0	1
XLOC_005041	XLOC_005041	MIR1251	chr12:97858798-97927544	0	1
XLOC_005042	XLOC_005042	MIR135A2	chr12:97957589-97957689	0	1
XLOC_005047	XLOC_005047	FAM71C	chr12:99039077-100378432	0	1
XLOC_005048	XLOC_005048	MIR1827	chr12:100583661-100583727	0	1
XLOC_005051	XLOC_005051	SLC17A8	chr12:100750856-100815837	0	1

XLOC_005052	XLOC_005052	NR1H4	chr12:100867550-100957645	0	1
XLOC_005054	XLOC_005054	ANO4	chr12:101188373-101522419	0	1
XLOC_005056	XLOC_005056	SPIC	chr12:101871334-101880775	0	1
XLOC_005057	XLOC_005057	MYBPC1	chr12:101988708-102079658	0	1
XLOC_005061	XLOC_005061	ASCL1	chr12:103351451-103354294	0	1
XLOC_005069	XLOC_005069	MIR3922	chr12:104850691-105155792	0	1
XLOC_005075	XLOC_005075	RFX4	chr12:106751435-107283094	0	1
XLOC_005080	XLOC_005080	ASCL4	chr12:108168161-108170421	0	1
XLOC_005081	XLOC_005081	WSCD2	chr12:108523510-108644313	0	1
XLOC_005084	XLOC_005084	DAO	chr12:109273856-109294710	0	1
XLOC_005092	XLOC_005092	MIR4497	chr12:110220891-110271241	0	1
XLOC_005100	XLOC_005100	CCDC63	chr12:111284810-111345338	0	1
XLOC_005101	XLOC_005101	LOC100131138	chr12:111374405-111375250	0	1
XLOC_005121	XLOC_005121	TBX5-AS1	chr12:114791734-114850637	0	1
XLOC_005130	XLOC_005130	HSPB8	chr12:119616594-119632551	0	1
XLOC_005131	XLOC_005131	CCDC60	chr12:119772516-119978852	0	1
XLOC_005132	XLOC_005132	TMEM233	chr12:120031263-120079363	0	1
XLOC_005146	XLOC_005146	P2RX7	chr12:121570621-121624354	0	1
XLOC_005177	XLOC_005177	MIR5188	chr12:125400092-125400205	0	1
XLOC_005181	XLOC_005181	LOC100128554	chr12:126927026-126957331	0	1
XLOC_005185	XLOC_005185	TMEM132C	chr12:128751947-129192460	0	1
XLOC_005186	XLOC_005186	MIR3612	chr12:128751947-129192460	0	1
XLOC_005188	XLOC_005188	FZD10	chr12:130647003-130650285	0	1
XLOC_005189	XLOC_005189	PIWIL1	chr12:130822432-130856877	0	1
XLOC_005194	XLOC_005194	MMP17	chr12:132312940-132336316	0	1
XLOC_005211	XLOC_005211	FAM138D	chr12:147945-149412	0	1
XLOC_005212	XLOC_005212	LOC574538	chr12:176048-287625	0	1
XLOC_005219	XLOC_005219	MIR3649	chr12:1769480-1769546	0	1
XLOC_005223	XLOC_005223	CACNA1C-AS4	chr12:2162415-2807115	0	1
XLOC_005224	XLOC_005224	CACNA1C-AS1	chr12:2162415-2807115	0	1
XLOC_005225	XLOC_005225	LOC283440	chr12:2870365-2880835	0	1
XLOC_005230	XLOC_005230	FGF23	chr12:4477392-4488894	0	1
XLOC_005231	XLOC_005231	FGF6	chr12:4543307-4554780	0	1
XLOC_005244	XLOC_005244	SCARNA11	chr12:6679247-6716551	0	1
XLOC_005260	XLOC_005260	CD163	chr12:7623411-7656414	0	1
XLOC_005261	XLOC_005261	POBEC1	chr12:7801955-7818502	0	1
XLOC_005262	XLOC_005262	GDF3	chr12:7842380-7848360	0	1
XLOC_005263	XLOC_005263	CLEC4C	chr12:7882010-7902069	0	1
XLOC_005271	XLOC_005271	CLEC4E	chr12:8685900-8693558	0	1
XLOC_005277	XLOC_005277	PZP	chr12:9301435-9360966	0	1
XLOC_005278	XLOC_005278	A2MP1	chr12:9381128-9386803	0	1
XLOC_005279	XLOC_005279	MIR1244-1	chr12:9392065-9392147	0	1
XLOC_005281	XLOC_005281	KLRB1	chr12:9747869-9760497	0	1
XLOC_005283	XLOC_005283	CD69	chr12:9905081-9913497	0	1
XLOC_005285	XLOC_005285	CLEC2A	chr12:10065825-10084980	0	1
XLOC_005286	XLOC_005286	CLEC1B	chr12:10145661-10151899	0	1
XLOC_005287	XLOC_005287	CLEC1A	chr12:10223079-10251605	0	1
XLOC_005289	XLOC_005289	OLR1	chr12:10310898-10324790	0	1
XLOC_005290	XLOC_005290	KLRC4,KLRC4-KLRK1,KLRK1	chr12:10524951-10562745	0	1
XLOC_005291	XLOC_005291	KLRC3	chr12:10564913-10573194	0	1
XLOC_005293	XLOC_005293	KLRC1	chr12:10598637-10607215	0	1
XLOC_005298	XLOC_005298	TAS2R7	chr12:10954130-10955226	0	1
XLOC_005299	XLOC_005299	TAS2R8	chr12:10958649-10959579	0	1
XLOC_005300	XLOC_005300	TAS2R9	chr12:10961692-10962767	0	1
XLOC_005312	XLOC_005312	TAS2R42	chr12:11338598-11339543	0	1
XLOC_005314	XLOC_005314	PRB4	chr12:11460014-11463369	0	1
XLOC_005315	XLOC_005315	PRB1	chr12:11504756-11508524	0	1
XLOC_005316	XLOC_005316	PRB2	chr12:11544473-11548498	0	1
XLOC_005317	XLOC_005317	RNU6-19	chr12:11802787-12079107	0	1
XLOC_005326	XLOC_005326	C12orf36	chr12:13523604-13529679	0	1
XLOC_005327	XLOC_005327	GRIN2B	chr12:13714409-14133022	0	1
XLOC_005333	XLOC_005333	ART4	chr12:14982244-14996413	0	1
XLOC_005334	XLOC_005334	MGP	chr12:15034114-15038853	0	1
XLOC_005335	XLOC_005335	ERP27	chr12:15066975-15091463	0	1
XLOC_005337	XLOC_005337	RERG	chr12:15260715-15374411	0	1
XLOC_005339	XLOC_005339	SLC15A5	chr12:16341418-16430619	0	1
XLOC_005340	XLOC_005340	LMO3	chr12:16701305-16761148	0	1
XLOC_005341	XLOC_005341	RERGL	chr12:18233802-18243114	0	1
XLOC_005342	XLOC_005342	PLCZ1	chr12:18836109-18890993	0	1
XLOC_005347	XLOC_005347	KCNJ8	chr12:21917888-21927755	0	1
XLOC_005351	XLOC_005351	SOX5	chr12:23685230-24715383	0	1
XLOC_005352	XLOC_005352	LINC00477	chr12:24719897-24737102	0	1
XLOC_005354	XLOC_005354	C12orf77	chr12:25146364-25150373	0	1
XLOC_005358	XLOC_005358	MIR4302	chr12:26026952-26027012	0	1
XLOC_005359	XLOC_005359	LOC100506451	chr12:26107587-26232825	0	1
XLOC_005365	XLOC_005365	MANSC4	chr12:27915598-27924209	0	1
XLOC_005368	XLOC_005368	OVCH1	chr12:29542226-29650619	0	1
XLOC_005369	XLOC_005369	TMTC1	chr12:29653745-29937692	0	1
XLOC_005377	XLOC_005377	RNU6-78	chr12:32146772-32146802	0	1

XLOC_005380	XLOC_005380	SYT10	chr12:33528347-33592754	0	1
XLOC_005381	XLOC_005381	CPNE8	chr12:39046001-39299420	0	1
XLOC_005383	XLOC_005383	ABCD2	chr12:39945021-40013843	0	1
XLOC_005389	XLOC_005389	ADAMTS20	chr12:43748011-43945724	0	1
XLOC_005393	XLOC_005393	DBX2	chr12:45408538-45444882	0	1
XLOC_005396	XLOC_005396	RNY5	chr12:45566816-45834187	0	1
XLOC_005402	XLOC_005402	AMIGO2	chr12:47469489-47473734	0	1
XLOC_005403	XLOC_005403	PCED1B-AS1	chr12:47602202-47630443	0	1
XLOC_005412	XLOC_005412	OR10AD1	chr12:48596121-48597075	0	1
XLOC_005421	XLOC_005421	MIR4701	chr12:49159974-49182820	0	1
XLOC_005435	XLOC_005435	C1QL4	chr12:49726199-49730971	0	1
XLOC_005442	XLOC_005442	LOC283332	chr12:50302665-50305646	0	1
XLOC_005446	XLOC_005446	MIR1293	chr12:50569562-50677353	0	1
XLOC_005456	XLOC_005456	FIGLN2	chr12:52211675-52225701	0	1
XLOC_005462	XLOC_005462	KRT84	chr12:52771595-52779417	0	1
XLOC_005463	XLOC_005463	KRT82	chr12:52787734-52800176	0	1
XLOC_005464	XLOC_005464	KRT75	chr12:52817853-52828110	0	1
XLOC_005465	XLOC_005465	KRT6B	chr12:52840434-52845910	0	1
XLOC_005466	XLOC_005466	KRT6C	chr12:52862299-52867569	0	1
XLOC_005467	XLOC_005467	KRT6A	chr12:52880957-52887181	0	1
XLOC_005469	XLOC_005469	KRT71	chr12:52937692-52946931	0	1
XLOC_005470	XLOC_005470	KRT74	chr12:52959602-52967609	0	1
XLOC_005471	XLOC_005471	KRT72	chr12:52979372-52985322	0	1
XLOC_005473	XLOC_005473	KRT2	chr12:53038341-53045959	0	1
XLOC_005475	XLOC_005475	KRT77	chr12:53083410-53097247	0	1
XLOC_005476	XLOC_005476	KRT76	chr12:53161938-53171129	0	1
XLOC_005477	XLOC_005477	KRT3	chr12:53183468-53189892	0	1
XLOC_005480	XLOC_005480	KRT78	chr12:53232745-53242778	0	1
XLOC_005494	XLOC_005494	HOXC-AS5	chr12:54329111-54340328	0	1
XLOC_005503	XLOC_005503	GTSF1	chr12:54849735-54867386	0	1
XLOC_005504	XLOC_005504	PPP1R1A	chr12:54973023-54982443	0	1
XLOC_005505	XLOC_005505	GLYCAM1	chr12:55001970-55004246	0	1
XLOC_005506	XLOC_005506	LACRT	chr12:55024622-55028663	0	1
XLOC_005508	XLOC_005508	TESPA1	chr12:55342086-55378530	0	1
XLOC_005509	XLOC_005509	OR6C6	chr12:55688071-55689016	0	1
XLOC_005510	XLOC_005510	OR6C70	chr12:55862983-55863922	0	1
XLOC_005530	XLOC_005530	SNORD59B	chr12:57031958-57039852	0	1
XLOC_005531	XLOC_005531	SNORD59A	chr12:57031958-57039852	0	1
XLOC_005538	XLOC_005538	TAC3	chr12:57403780-57410344	0	1
XLOC_005548	XLOC_005548	B4GALNT1	chr12:58013692-58027022	0	1
XLOC_005555	XLOC_005555	MIR26A2	chr12:58213709-58240747	0	1
XLOC_005561	XLOC_005561	AVPR1A	chr12:63536538-63546590	0	1
XLOC_005564	XLOC_005564	C12orf56	chr12:646660762-64784345	0	1
XLOC_005566	XLOC_005566	WIF1	chr12:65444403-65515346	0	1
XLOC_005571	XLOC_005571	IFNG	chr12:68548549-68553521	0	1
XLOC_005572	XLOC_005572	IL26	chr12:68595128-68619571	0	1
XLOC_005573	XLOC_005573	IL22	chr12:68642024-68647281	0	1
XLOC_005575	XLOC_005575	SNORA70G	chr12:69004618-69054385	0	1
XLOC_005579	XLOC_005579	MIR1279	chr12:69633316-69668138	0	1
XLOC_005580	XLOC_005580	MIR3913-1	chr12:69978501-69978603	0	1
XLOC_005585	XLOC_005585	TSPAN8	chr12:71518876-71551779	0	1
XLOC_005588	XLOC_005588	TRHDE-AS1	chr12:72647286-73059422	0	1
XLOC_005589	XLOC_005589	LOC100507377	chr12:74526955-74686411	0	1
XLOC_005590	XLOC_005590	KCNC2	chr12:75433857-75603528	0	1
XLOC_005601	XLOC_005601	LIN7A	chr12:81191170-81331694	0	1
XLOC_005602	XLOC_005602	MIR617	chr12:81191170-81331694	0	1
XLOC_005603	XLOC_005603	MIR618	chr12:81191170-81331694	0	1
XLOC_005604	XLOC_005604	PPFIA2	chr12:81652044-82153109	0	1
XLOC_005606	XLOC_005606	SLC6A15	chr12:85253266-85306608	0	1
XLOC_005607	XLOC_005607	TSPAN19	chr12:85408093-85430055	0	1
XLOC_005608	XLOC_005608	RASSF9	chr12:86198330-86230318	0	1
XLOC_005609	XLOC_005609	MGAT4C	chr12:86373036-87232681	0	1
XLOC_005610	XLOC_005610	MIR548AL	chr12:86373036-87232681	0	1
XLOC_005611	XLOC_005611	MKRN9P	chr12:88176662-88178488	0	1
XLOC_005619	XLOC_005619	CCER1	chr12:91345991-91348953	0	1
XLOC_005620	XLOC_005620	EPYC	chr12:91357455-91398803	0	1
XLOC_005621	XLOC_005621	KERA	chr12:91444270-91452131	0	1
XLOC_005622	XLOC_005622	LUM	chr12:91497231-91505542	0	1
XLOC_005623	XLOC_005623	DCN	chr12:91539034-91576806	0	1
XLOC_005625	XLOC_005625	CLLU1OS	chr12:92813869-92824778	0	1
XLOC_005627	XLOC_005627	LOC643339	chr12:93397533-93771512	0	1
XLOC_005641	XLOC_005641	MIR4303	chr12:98389160-98389226	0	1
XLOC_005642	XLOC_005642	SLC9A7P1	chr12:98847618-98850923	0	1
XLOC_005650	XLOC_005650	SLC5A8	chr12:101549993-101604016	0	1
XLOC_005659	XLOC_005659	PAH	chr12:103232103-103311381	0	1
XLOC_005660	XLOC_005660	C12orf42	chr12:103695732-103889749	0	1
XLOC_005671	XLOC_005671	LOC100287944	chr12:106751435-107283094	0	1
XLOC_005676	XLOC_005676	LOC728739	chr12:108296926-108297548	0	1
XLOC_005715	XLOC_005715	LHX5	chr12:113900693-113909877	0	1

XLOC_005717	XLOC_005717	TBX5	chr12:114791734-114850637	0	1
XLOC_005720	XLOC_005720	MIR620	chr12:116396380-116714991	0	1
XLOC_005721	XLOC_005721	MIR4472-2	chr12:116866056-116866123	0	1
XLOC_005727	XLOC_005727	KSR2	chr12:117890816-118406028	0	1
XLOC_005731	XLOC_005731	LOC144742	chr12:119721629-119741185	0	1
XLOC_005735	XLOC_005735	MIR4498	chr12:120565013-120632513	0	1
XLOC_005752	XLOC_005752	MORN3	chr12:122089292-122107560	0	1
XLOC_005756	XLOC_005756	IL31	chr12:122652265-122688018	0	1
XLOC_005768	XLOC_005768	MIR4304	chr12:123468026-123594975	0	1
XLOC_005780	XLOC_005780	LOC400084	chr12:126443233-126467920	0	1
XLOC_005782	XLOC_005782	LOC440117	chr12:127354039-127359236	0	1
XLOC_005784	XLOC_005784	TMEM132D	chr12:129556270-130388212	0	1
XLOC_005785	XLOC_005785	LOC100190940	chr12:130518356-130526887	0	1
XLOC_005786	XLOC_005786	FLJ31485	chr12:130636137-130646223	0	1
XLOC_005791	XLOC_005791	LRCOL1	chr12:133179735-133187037	0	1
XLOC_005797	XLOC_005797	ANHX	chr12:133794897-133812422	0	1
XLOC_005798	XLOC_005798	LINC00442	chr13:19582398-19586774	0	1
XLOC_005799	XLOC_005799	RNU6-52	chr13:19717121-19717217	0	1
XLOC_005800	XLOC_005800	LINC00421	chr13:19919188-19920889	0	1
XLOC_005810	XLOC_005810	LINC00327	chr13:24043650-24061603	0	1
XLOC_005811	XLOC_005811	TNFRSF19	chr13:24144508-24250244	0	1
XLOC_005814	XLOC_005814	MIR2276	chr13:24734860-24881212	0	1
XLOC_005818	XLOC_005818	RNF17	chr13:25338300-25454058	0	1
XLOC_005821	XLOC_005821	ATP8A2	chr13:25946208-26595420	0	1
XLOC_005825	XLOC_005825	SNORD102	chr13:27825691-27830702	0	1
XLOC_005830	XLOC_005830	GSX1	chr13:28366779-28368089	0	1
XLOC_005836	XLOC_005836	LINC00544	chr13:30510667-30524625	0	1
XLOC_005839	XLOC_005839	LINC00398	chr13:31377342-31384782	0	1
XLOC_005840	XLOC_005840	MEDAG	chr13:31456971-31506745	0	1
XLOC_005841	XLOC_005841	TEX26	chr13:31506833-31549153	0	1
XLOC_005844	XLOC_005844	EEF1DP3	chr13:32420919-32533721	0	1
XLOC_005848	XLOC_005848	KL	chr13:33590570-33640282	0	1
XLOC_005852	XLOC_005852	SPG200S	chr13:36875774-36944317	0	1
XLOC_005853	XLOC_005853	CCNA1	chr13:37005966-37017019	0	1
XLOC_005854	XLOC_005854	SERTM1	chr13:37248048-37271975	0	1
XLOC_005857	XLOC_005857	LINC00547	chr13:38109076-38125673	0	1
XLOC_005859	XLOC_005859	LINC00366	chr13:39141860-39153653	0	1
XLOC_005863	XLOC_005863	LINC00332	chr13:40755945-40763167	0	1
XLOC_005868	XLOC_005868	RGCC	chr13:42031541-42045013	0	1
XLOC_005872	XLOC_005872	TNFSF11	chr13:43136871-43182149	0	1
XLOC_005873	XLOC_005873	FAM216B	chr13:43355685-43365685	0	1
XLOC_005874	XLOC_005874	DNAJC15	chr13:43597361-43683306	0	1
XLOC_005876	XLOC_005876	LINC00284	chr13:44596470-44604599	0	1
XLOC_005877	XLOC_005877	SERP2	chr13:44947977-44971850	0	1
XLOC_005890	XLOC_005890	CYSLTR2	chr13:49280950-49283498	0	1
XLOC_005896	XLOC_005896	ARL11	chr13:50202434-50208008	0	1
XLOC_005905	XLOC_005905	MIR4703	chr13:52126724-52126803	0	1
XLOC_005913	XLOC_005913	MIR759	chr13:53384184-53384275	0	1
XLOC_005914	XLOC_005914	OLFM4	chr13:53602875-53626196	0	1
XLOC_005915	XLOC_005915	LINC00558	chr13:54389553-54450254	0	1
XLOC_005916	XLOC_005916	MIR5007	chr13:55748588-55748683	0	1
XLOC_005917	XLOC_005917	PRR20B	chr13:57715051-57718073	0	1
XLOC_005918	XLOC_005918	PRR20D	chr13:57721621-57724643	0	1
XLOC_005919	XLOC_005919	PRR20E	chr13:57728194-57731216	0	1
XLOC_005920	XLOC_005920	PRR20A	chr13:57734765-57737787	0	1
XLOC_005921	XLOC_005921	PRR20A	chr13:57741330-57744352	0	1
XLOC_005922	XLOC_005922	PCDH17	chr13:58205788-58303065	0	1
XLOC_005923	XLOC_005923	DIAPH3-AS1	chr13:60239720-60738119	0	1
XLOC_005924	XLOC_005924	DIAPH3-AS2	chr13:60239720-60738119	0	1
XLOC_005927	XLOC_005927	PCDH9-AS2	chr13:66876965-67804468	0	1
XLOC_005928	XLOC_005928	PCDH9-AS3	chr13:66876965-67804468	0	1
XLOC_005929	XLOC_005929	ATXN8OS	chr13:70274724-70713885	0	1
XLOC_005930	XLOC_005930	LINC00348	chr13:71589272-71742549	0	1
XLOC_005934	XLOC_005934	LINC00381	chr13:74993309-75009296	0	1
XLOC_005935	XLOC_005935	LINC00347	chr13:75126979-75131257	0	1
XLOC_005939	XLOC_005939	BTF3P11	chr13:77502584-77503224	0	1
XLOC_005940	XLOC_005940	IRG1	chr13:77526623-77532776	0	1
XLOC_005942	XLOC_005942	MYCBP2-AS1	chr13:77618791-77901177	0	1
XLOC_005943	XLOC_005943	SCEL	chr13:78109808-78219398	0	1
XLOC_005944	XLOC_005944	SLAIN1	chr13:78271988-78338377	0	1
XLOC_005945	XLOC_005945	LINC00446	chr13:78587017-78627730	0	1
XLOC_005949	XLOC_005949	LINC00333	chr13:84714736-85180903	0	1
XLOC_005950	XLOC_005950	LINC00351	chr13:85937737-86118797	0	1
XLOC_005951	XLOC_005951	SLITRK5	chr13:88324869-88331870	0	1
XLOC_005952	XLOC_005952	LINC00433	chr13:89193083-89197764	0	1
XLOC_005953	XLOC_005953	MIR622	chr13:90883435-90883531	0	1
XLOC_005956	XLOC_005956	GPC6	chr13:93879077-95060273	0	1
XLOC_005958	XLOC_005958	CLDN10	chr13:96085852-96296960	0	1
XLOC_005960	XLOC_005960	HS6ST3	chr13:96743092-97491816	0	1

XLOC_005965	XLOC_005965	MIR3170	chr13:98795433-99102023	0	1
XLOC_005967	XLOC_005967	FKSG29	chr13:99848627-100058554	0	1
XLOC_005968	XLOC_005968	MIR623	chr13:99848627-100058554	0	1
XLOC_005971	XLOC_005971	MIR4306	chr13:100258918-100549388	0	1
XLOC_005975	XLOC_005975	ITGBL1	chr13:102104943-103054124	0	1
XLOC_005976	XLOC_005976	FGF14-AS2	chr13:102104943-103054124	0	1
XLOC_005980	XLOC_005980	DAOA	chr13:106111405-106158030	0	1
XLOC_005981	XLOC_005981	LINC00343	chr13:106359217-106414143	0	1
XLOC_005983	XLOC_005983	LINC00551	chr13:107270157-107284006	0	1
XLOC_005984	XLOC_005984	LINC00443	chr13:107306227-107324528	0	1
XLOC_005993	XLOC_005993	SOX1	chr13:112721912-112726020	0	1
XLOC_005994	XLOC_005994	SPACA7	chr13:113030650-113089009	0	1
XLOC_005995	XLOC_005995	C13orf35	chr13:113301357-113338811	0	1
XLOC_006005	XLOC_006005	GRK1	chr13:114321596-114438637	0	1
XLOC_006006	XLOC_006006	TMEM255B	chr13:114462215-114514899	0	1
XLOC_006013	XLOC_006013	TUBA3C	chr13:19747909-19755992	0	1
XLOC_006014	XLOC_006014	ANKRD26P3	chr13:19836939-19919113	0	1
XLOC_006019	XLOC_006019	GJB2	chr13:20761603-20767114	0	1
XLOC_006020	XLOC_006020	GJB6	chr13:20796100-20806534	0	1
XLOC_006022	XLOC_006022	MIR4499	chr13:20977805-21100012	0	1
XLOC_006029	XLOC_006029	LINC00424	chr13:22446934-22452299	0	1
XLOC_006030	XLOC_006030	BASP1P1	chr13:23471168-23472320	0	1
XLOC_006035	XLOC_006035	SPATA13-AS1	chr13:24734860-24881212	0	1
XLOC_006039	XLOC_006039	AMER2	chr13:25742671-25745857	0	1
XLOC_006041	XLOC_006041	SHISA2	chr13:26618734-26625198	0	1
XLOC_006048	XLOC_006048	PRHONB	chr13:28552242-28562774	0	1
XLOC_006049	XLOC_006049	FLT3	chr13:28577410-28674729	0	1
XLOC_006056	XLOC_006056	LINC00297	chr13:30446749-30462542	0	1
XLOC_006060	XLOC_006060	TEX26-AS1	chr13:31456971-31506745	0	1
XLOC_006067	XLOC_006067	LINC00423	chr13:33383327-33485790	0	1
XLOC_006069	XLOC_006069	LINC00457	chr13:35009590-35214822	0	1
XLOC_006070	XLOC_006070	MAB21L1	chr13:35516423-36705514	0	1
XLOC_006071	XLOC_006071	DCLK1	chr13:35516423-36705514	0	1
XLOC_006072	XLOC_006072	CCDC169,CCDC169-SOHLH2,SC	chr13:36742344-36871992	0	1
XLOC_006073	XLOC_006073	SPG20	chr13:36875774-36944317	0	1
XLOC_006077	XLOC_006077	CSNK1A1L	chr13:37677396-37679801	0	1
XLOC_006078	XLOC_006078	POSTN	chr13:38136718-38172981	0	1
XLOC_006079	XLOC_006079	TRPC4	chr13:38210772-38443939	0	1
XLOC_006081	XLOC_006081	STOML3	chr13:39540061-39564996	0	1
XLOC_006083	XLOC_006083	LHFP	chr13:39917028-40177356	0	1
XLOC_006084	XLOC_006084	MIR4305	chr13:40229763-40365802	0	1
XLOC_006085	XLOC_006085	LINC00548	chr13:40768645-40794639	0	1
XLOC_006088	XLOC_006088	MIR320D1	chr13:41301963-41302011	0	1
XLOC_006096	XLOC_006096	EPST11	chr13:43460523-43566407	0	1
XLOC_006099	XLOC_006099	SMIM2-IT1	chr13:44720605-44732358	0	1
XLOC_006107	XLOC_006107	FAM194B	chr13:46115431-46189874	0	1
XLOC_006113	XLOC_006113	KIAA0226L	chr13:46916136-46961635	0	1
XLOC_006115	XLOC_006115	HTR2A	chr13:47405676-47471211	0	1
XLOC_006121	XLOC_006121	LINC00462	chr13:49151109-49155037	0	1
XLOC_006128	XLOC_006128	MIR3613	chr13:50556687-50699677	0	1
XLOC_006129	XLOC_006129	MIR16-1	chr13:50556687-50699677	0	1
XLOC_006130	XLOC_006130	MIR15A	chr13:50556687-50699677	0	1
XLOC_006132	XLOC_006132	RNASEH2B-AS1	chr13:51456514-51544596	0	1
XLOC_006133	XLOC_006133	GUCY1B2	chr13:51568646-51640293	0	1
XLOC_006134	XLOC_006134	MIR5693	chr13:51915167-52027275	0	1
XLOC_006146	XLOC_006146	MIR1297	chr13:54886106-54886183	0	1
XLOC_006148	XLOC_006148	MIR3169	chr13:61773931-61774014	0	1
XLOC_006149	XLOC_006149	PCDH20	chr13:61983818-61989655	0	1
XLOC_006150	XLOC_006150	PCDH9	chr13:66876965-67804468	0	1
XLOC_006151	XLOC_006151	LINC00550	chr13:69435416-69459457	0	1
XLOC_006152	XLOC_006152	KLHL1	chr13:70274724-70713885	0	1
XLOC_006157	XLOC_006157	CTAGE11P	chr13:75811888-75814517	0	1
XLOC_006163	XLOC_006163	MIR3665	chr13:78271988-78338377	0	1
XLOC_006164	XLOC_006164	EDNRB	chr13:78469615-78549674	0	1
XLOC_006167	XLOC_006167	LINC00331	chr13:79361453-79414160	0	1
XLOC_006169	XLOC_006169	NDFIP2-AS1	chr13:80051498-80130212	0	1
XLOC_006171	XLOC_006171	SLITRK1	chr13:84451342-84456528	0	1
XLOC_006172	XLOC_006172	SLITRK6	chr13:86366921-86373483	0	1
XLOC_006173	XLOC_006173	MIR4500HG	chr13:88096241-88323218	0	1
XLOC_006174	XLOC_006174	MIR4500	chr13:88096241-88323218	0	1
XLOC_006175	XLOC_006175	LINC00353	chr13:90201047-90216667	0	1
XLOC_006176	XLOC_006176	LINC00559	chr13:90712500-90771971	0	1
XLOC_006178	XLOC_006178	LINC00379	chr13:91779866-91863952	0	1
XLOC_006179	XLOC_006179	GPC5-AS1	chr13:92050934-93519487	0	1
XLOC_006180	XLOC_006180	GPC6-AS2	chr13:93879077-95060273	0	1
XLOC_006183	XLOC_006183	SOX21	chr13:95361878-95364389	0	1
XLOC_006185	XLOC_006185	CLDN10-AS1	chr13:96085852-96296960	0	1
XLOC_006188	XLOC_006188	LINC00359	chr13:97593534-97636426	0	1
XLOC_006189	XLOC_006189	OXGR1	chr13:97637972-97646604	0	1

XLOC_006190	XLOC_006190	RNF113B	chr13:98795433-99102023	0	1
XLOC_006195	XLOC_006195	MIR548AN	chr13:99848627-100058554	0	1
XLOC_006199	XLOC_006199	PCCA-AS1	chr13:100741268-101241046	0	1
XLOC_006202	XLOC_006202	NALCN	chr13:101360578-102068813	0	1
XLOC_006203	XLOC_006203	FGF14	chr13:102104943-103054124	0	1
XLOC_006204	XLOC_006204	MIR2681	chr13:102104943-103054124	0	1
XLOC_006205	XLOC_006205	MIR4705	chr13:102104943-103054124	0	1
XLOC_006206	XLOC_006206	FGF14-IT1	chr13:102104943-103054124	0	1
XLOC_006207	XLOC_006207	METTL21C	chr13:103338096-103346871	0	1
XLOC_006208	XLOC_006208	CCDC168	chr13:103381716-103411422	0	1
XLOC_006211	XLOC_006211	SLC10A2	chr13:103696347-103719196	0	1
XLOC_006212	XLOC_006212	MIR548AS	chr13:103934828-103934848	0	1
XLOC_006213	XLOC_006213	DAOA-AS1	chr13:106111405-106158030	0	1
XLOC_006216	XLOC_006216	FAM155A	chr13:107820878-108519460	0	1
XLOC_006218	XLOC_006218	MYO16-AS1	chr13:109248499-109860355	0	1
XLOC_006221	XLOC_006221	COL4A2-AS1	chr13:110959630-111165373	0	1
XLOC_006232	XLOC_006232	ATP4B	chr13:114303121-114312513	0	1
XLOC_006233	XLOC_006233	LINC00552	chr13:114451483-11445062	0	1
XLOC_006237	XLOC_006237	OR11H12	chr14:19377593-19378574	0	1
XLOC_006238	XLOC_006238	POTEG	chr14:19553364-19584942	0	1
XLOC_006239	XLOC_006239	LOC101101776	chr14:19894368-19904572	0	1
XLOC_006240	XLOC_006240	OR4Q3	chr14:20215586-20216528	0	1
XLOC_006241	XLOC_006241	OR4M1	chr14:20248481-20249423	0	1
XLOC_006242	XLOC_006242	OR4N2	chr14:20295607-20296531	0	1
XLOC_006243	XLOC_006243	OR4K2	chr14:20344426-20345371	0	1
XLOC_006244	XLOC_006244	OR4K5	chr14:20388765-20389737	0	1
XLOC_006245	XLOC_006245	OR4K1	chr14:20403766-20404842	0	1
XLOC_006246	XLOC_006246	OR4K15	chr14:20443677-20444724	0	1
XLOC_006247	XLOC_006247	OR4L1	chr14:20528203-20529142	0	1
XLOC_006248	XLOC_006248	OR4K17	chr14:20585565-20586597	0	1
XLOC_006249	XLOC_006249	OR4N5	chr14:20611894-20612821	0	1
XLOC_006250	XLOC_006250	OR11G2	chr14:20665494-20666532	0	1
XLOC_006251	XLOC_006251	OR11H6	chr14:20691868-20692861	0	1
XLOC_006256	XLOC_006256	RNASE10	chr14:20978630-20979281	0	1
XLOC_006258	XLOC_006258	EDDM3A	chr14:21214098-21216539	0	1
XLOC_006259	XLOC_006259	EDDM3B	chr14:21236585-21239107	0	1
XLOC_006260	XLOC_006260	RNASE6	chr14:21249209-21250626	0	1
XLOC_006266	XLOC_006266	TPPP2	chr14:21498344-21500332	0	1
XLOC_006268	XLOC_006268	RNASE8	chr14:21526051-21526516	0	1
XLOC_006273	XLOC_006273	OR4E2	chr14:22133296-22134238	0	1
XLOC_006280	XLOC_006280	PSMB11	chr14:23511375-23513269	0	1
XLOC_006283	XLOC_006283	IL25	chr14:23842017-23845612	0	1
XLOC_006284	XLOC_006284	CMTM5	chr14:23846016-23848981	0	1
XLOC_006292	XLOC_006292	CPNE6	chr14:24540755-24547296	0	1
XLOC_006307	XLOC_006307	MIR4307	chr14:27377847-27377931	0	1
XLOC_006308	XLOC_006308	LINC00645	chr14:28081793-28108842	0	1
XLOC_006309	XLOC_006309	FOXG1	chr14:29236277-29239483	0	1
XLOC_006319	XLOC_006319	IGBP1P1	chr14:35409127-35409702	0	1
XLOC_006326	XLOC_006326	LINC00609	chr14:36539632-36645857	0	1
XLOC_006333	XLOC_006333	MIA2	chr14:39703124-39722575	0	1
XLOC_006335	XLOC_006335	LRFN5	chr14:42076763-42373752	0	1
XLOC_006339	XLOC_006339	SNORD127	chr14:45553301-45603732	0	1
XLOC_006352	XLOC_006352	GNG2	chr14:52327021-52436518	0	1
XLOC_006354	XLOC_006354	PTGDR	chr14:52734430-52743442	0	1
XLOC_006370	XLOC_006370	OTX2-AS1	chr14:57279900-57397550	0	1
XLOC_006381	XLOC_006381	LRRC9	chr14:60386430-60530277	0	1
XLOC_006384	XLOC_006384	SIX6	chr14:60975937-60978525	0	1
XLOC_006388	XLOC_006388	FLJ22447	chr14:62037257-62121431	0	1
XLOC_006391	XLOC_006391	SYT16	chr14:62462540-62568427	0	1
XLOC_006392	XLOC_006392	LINC00643	chr14:62584074-62600903	0	1
XLOC_006393	XLOC_006393	RHOJ	chr14:63671101-63760230	0	1
XLOC_006402	XLOC_006402	MIR4706	chr14:65381078-65569413	0	1
XLOC_006407	XLOC_006407	FAM71D	chr14:67656109-67695267	0	1
XLOC_006425	XLOC_006425	SNORD56B	chr14:71865053-71865124	0	1
XLOC_006428	XLOC_006428	RGS6	chr14:72398816-73033238	0	1
XLOC_006439	XLOC_006439	MIR4505	chr14:74181824-74253896	0	1
XLOC_006445	XLOC_006445	VSX2	chr14:74706174-74729441	0	1
XLOC_006446	XLOC_006446	VRTN	chr14:74815165-74826711	0	1
XLOC_006456	XLOC_006456	BATF	chr14:75988783-76013334	0	1
XLOC_006463	XLOC_006463	C14orf166B	chr14:77292724-77336645	0	1
XLOC_006466	XLOC_006466	MIR1260A	chr14:77731833-77737655	0	1
XLOC_006474	XLOC_006474	DIO2-AS1	chr14:80663867-80921810	0	1
XLOC_006475	XLOC_006475	TSHR	chr14:81421868-81612646	0	1
XLOC_006476	XLOC_006476	FLRT2	chr14:85996487-86094270	0	1
XLOC_006477	XLOC_006477	LOC283585	chr14:87372121-87389099	0	1
XLOC_006486	XLOC_006486	KCNK13	chr14:90528107-90652195	0	1
XLOC_006489	XLOC_006489	LINC00642	chr14:90921573-90925249	0	1
XLOC_006502	XLOC_006502	FAM181A	chr14:94371075-94395954	0	1
XLOC_006503	XLOC_006503	LINC00521	chr14:94463615-94478041	0	1

XLOC_006508	XLOC_006508	SERPINA4	chr14:95027782-95036243	0	1
XLOC_006509	XLOC_006509	SERPINA5	chr14:95047705-95059457	0	1
XLOC_006511	XLOC_006511	SERPINA13P	chr14:95107061-95113331	0	1
XLOC_006514	XLOC_006514	TCL6	chr14:96117514-96139789	0	1
XLOC_006515	XLOC_006515	TCL1B	chr14:96152753-96158980	0	1
XLOC_006516	XLOC_006516	LINC00617	chr14:96343108-96391908	0	1
XLOC_006517	XLOC_006517	C14orf132	chr14:96505660-96560226	0	1
XLOC_006518	XLOC_006518	BDKRB2	chr14:96671134-96710666	0	1
XLOC_006519	XLOC_006519	BDKRB1	chr14:96722546-96731100	0	1
XLOC_006524	XLOC_006524	C14orf177	chr14:99177949-99184103	0	1
XLOC_006527	XLOC_006527	MIR5698	chr14:100111479-100143011	0	1
XLOC_006529	XLOC_006529	EML1	chr14:100259744-100408395	0	1
XLOC_006530	XLOC_006530	EVL	chr14:100531750-100610573	0	1
XLOC_006532	XLOC_006532	MIR345	chr14:100774195-100774293	0	1
XLOC_006533	XLOC_006533	SLC25A47	chr14:100789678-100796715	0	1
XLOC_006535	XLOC_006535	LINC00523	chr14:101123604-101139081	0	1
XLOC_006536	XLOC_006536	DLK1	chr14:101193201-101201467	0	1
XLOC_006537	XLOC_006537	MIR2392	chr14:101280827-101280911	0	1
XLOC_006538	XLOC_006538	MEG3,MIR770	chr14:101292444-101327360	0	1
XLOC_006539	XLOC_006539	MIR493	chr14:101335396-101335485	0	1
XLOC_006540	XLOC_006540	MIR337	chr14:101340829-101340922	0	1
XLOC_006541	XLOC_006541	MIR665	chr14:101341369-101341441	0	1
XLOC_006542	XLOC_006542	MIR431	chr14:101346991-101351184	0	1
XLOC_006543	XLOC_006543	MIR433	chr14:101346991-101351184	0	1
XLOC_006544	XLOC_006544	MIR127	chr14:101346991-101351184	0	1
XLOC_006545	XLOC_006545	MIR432	chr14:101346991-101351184	0	1
XLOC_006546	XLOC_006546	MIR136	chr14:101346991-101351184	0	1
XLOC_006547	XLOC_006547	MEG8	chr14:101361106-101373305	0	1
XLOC_006548	XLOC_006548	SNORD113-1	chr14:101391157-101391227	0	1
XLOC_006549	XLOC_006549	SNORD113-2	chr14:101393678-101393749	0	1
XLOC_006550	XLOC_006550	SNORD113-4	chr14:101402827-101402901	0	1
XLOC_006551	XLOC_006551	SNORD113-5	chr14:101404523-101404600	0	1
XLOC_006552	XLOC_006552	SNORD113-6	chr14:101405892-101405966	0	1
XLOC_006553	XLOC_006553	SNORD113-7	chr14:101407462-101407538	0	1
XLOC_006554	XLOC_006554	SNORD113-9	chr14:101411985-101412056	0	1
XLOC_006555	XLOC_006555	SNORD114-1	chr14:101416169-101416240	0	1
XLOC_006556	XLOC_006556	SNORD114-2	chr14:101418192-101418269	0	1
XLOC_006557	XLOC_006557	SNORD114-3	chr14:101419685-101419759	0	1
XLOC_006558	XLOC_006558	SNORD114-4	chr14:101420680-101420784	0	1
XLOC_006559	XLOC_006559	SNORD114-5	chr14:101421706-101421775	0	1
XLOC_006560	XLOC_006560	SNORD114-6	chr14:101423502-101423573	0	1
XLOC_006561	XLOC_006561	SNORD114-7	chr14:101429390-101429466	0	1
XLOC_006562	XLOC_006562	SNORD114-8	chr14:101431117-101431188	0	1
XLOC_006563	XLOC_006563	SNORD114-9	chr14:101432365-101432436	0	1
XLOC_006564	XLOC_006564	SNORD114-10	chr14:101433388-101433459	0	1
XLOC_006565	XLOC_006565	SNORD114-11	chr14:101434447-101434521	0	1
XLOC_006566	XLOC_006566	SNORD114-12	chr14:101435284-101435358	0	1
XLOC_006567	XLOC_006567	SNORD114-13	chr14:101436215-101436288	0	1
XLOC_006568	XLOC_006568	SNORD114-14	chr14:101438439-101438513	0	1
XLOC_006569	XLOC_006569	SNORD114-15	chr14:101439006-101439077	0	1
XLOC_006570	XLOC_006570	SNORD114-16	chr14:101439931-101440000	0	1
XLOC_006571	XLOC_006571	SNORD114-17	chr14:101441142-101441216	0	1
XLOC_006572	XLOC_006572	SNORD114-18	chr14:101442161-101442232	0	1
XLOC_006573	XLOC_006573	SNORD114-19	chr14:101442813-101442887	0	1
XLOC_006574	XLOC_006574	SNORD114-20	chr14:101447340-101447411	0	1
XLOC_006575	XLOC_006575	SNORD114-21	chr14:101448311-101448382	0	1
XLOC_006576	XLOC_006576	SNORD114-22	chr14:101449262-101449333	0	1
XLOC_006577	XLOC_006577	SNORD114-23	chr14:101450212-101450283	0	1
XLOC_006578	XLOC_006578	SNORD114-24	chr14:101451113-101451184	0	1
XLOC_006579	XLOC_006579	SNORD114-25	chr14:101452393-101452464	0	1
XLOC_006580	XLOC_006580	SNORD114-26	chr14:101453382-101453453	0	1
XLOC_006581	XLOC_006581	SNORD114-27	chr14:101454497-101454568	0	1
XLOC_006582	XLOC_006582	SNORD114-28	chr14:101455466-101455537	0	1
XLOC_006583	XLOC_006583	SNORD114-29	chr14:101456427-101456498	0	1
XLOC_006584	XLOC_006584	SNORD114-30	chr14:101458255-101458326	0	1
XLOC_006585	XLOC_006585	SNORD114-31	chr14:101459572-101459643	0	1
XLOC_006586	XLOC_006586	MIR379	chr14:101488402-101488469	0	1
XLOC_006587	XLOC_006587	MIR411	chr14:101489661-101489757	0	1
XLOC_006588	XLOC_006588	MIR299	chr14:101490130-101490193	0	1
XLOC_006589	XLOC_006589	MIR380	chr14:101491353-101491414	0	1
XLOC_006590	XLOC_006590	MIR1197	chr14:101491900-101491988	0	1
XLOC_006591	XLOC_006591	MIR323A	chr14:101492068-101492154	0	1
XLOC_006592	XLOC_006592	MIR758	chr14:101492356-101492444	0	1
XLOC_006593	XLOC_006593	MIR329-1	chr14:101493121-101493201	0	1
XLOC_006594	XLOC_006594	MIR329-2	chr14:101493436-101493520	0	1
XLOC_006595	XLOC_006595	MIR494	chr14:101495970-101496051	0	1
XLOC_006596	XLOC_006596	MIR1193	chr14:101496388-101496466	0	1
XLOC_006597	XLOC_006597	MIR543	chr14:101498323-101498401	0	1
XLOC_006598	XLOC_006598	MIR495	chr14:101500091-101500173	0	1

XLOC_006599	XLOC_006599	MIR376C	chr14:101506026-101506092	0	1
XLOC_006600	XLOC_006600	MIR376A2	chr14:101506405-101506485	0	1
XLOC_006601	XLOC_006601	MIR654	chr14:101506555-101506636	0	1
XLOC_006602	XLOC_006602	MIR376B	chr14:101506772-101506872	0	1
XLOC_006603	XLOC_006603	MIR376A1	chr14:101507118-101507186	0	1
XLOC_006604	XLOC_006604	MIR300	chr14:101507699-101507781	0	1
XLOC_006605	XLOC_006605	MIR1185-1	chr14:101509313-101509398	0	1
XLOC_006606	XLOC_006606	MIR1185-2	chr14:101510534-101510619	0	1
XLOC_006607	XLOC_006607	MIR381	chr14:101512256-101512331	0	1
XLOC_006608	XLOC_006608	MIR487B	chr14:101512791-101512875	0	1
XLOC_006609	XLOC_006609	MIR539	chr14:101513657-101513735	0	1
XLOC_006610	XLOC_006610	MIR889	chr14:101514237-101514316	0	1
XLOC_006611	XLOC_006611	MIR655	chr14:101515886-101515983	0	1
XLOC_006612	XLOC_006612	MIR487A	chr14:101518782-101518862	0	1
XLOC_006613	XLOC_006613	MIR382	chr14:101520642-101520718	0	1
XLOC_006614	XLOC_006614	MIR134	chr14:101521023-101521096	0	1
XLOC_006615	XLOC_006615	MIR668	chr14:101521594-101521660	0	1
XLOC_006616	XLOC_006616	MIR485	chr14:101521755-101521828	0	1
XLOC_006617	XLOC_006617	MIR323B	chr14:101522555-101522637	0	1
XLOC_006618	XLOC_006618	MIR154	chr14:101526091-101526175	0	1
XLOC_006619	XLOC_006619	MIR496	chr14:101526909-101527011	0	1
XLOC_006620	XLOC_006620	MIR377	chr14:101528386-101528455	0	1
XLOC_006621	XLOC_006621	MIR541	chr14:101530831-101530915	0	1
XLOC_006622	XLOC_006622	MIR409	chr14:101531636-101531715	0	1
XLOC_006623	XLOC_006623	MIR412	chr14:101531783-101531874	0	1
XLOC_006624	XLOC_006624	MIR369	chr14:101531934-101532004	0	1
XLOC_006625	XLOC_006625	MIR410	chr14:101532248-101532328	0	1
XLOC_006626	XLOC_006626	MIR656	chr14:101533060-101533138	0	1
XLOC_006627	XLOC_006627	MEG9	chr14:101536247-101539273	0	1
XLOC_006628	XLOC_006628	DIO3	chr14:102027687-102029789	0	1
XLOC_006635	XLOC_006635	MIR4309	chr14:103005980-103006063	0	1
XLOC_006650	XLOC_006650	ASPG	chr14:104552022-104579046	0	1
XLOC_006651	XLOC_006651	MIR203	chr14:104583741-104583851	0	1
XLOC_006670	XLOC_006670	KIAA0125	chr14:106383837-106398502	0	1
XLOC_006671	XLOC_006671	LINC00226	chr14:106744268-106744966	0	1
XLOC_006672	XLOC_006672	LINC00221	chr14:106938454-106951529	0	1
XLOC_006673	XLOC_006673	LOC642426	chr14:19407014-19410111	0	1
XLOC_006674	XLOC_006674	LOC101101776	chr14:19670791-19681016	0	1
XLOC_006675	XLOC_006675	POTEM	chr14:19983953-20020272	0	1
XLOC_006677	XLOC_006677	OR4K14	chr14:20482419-20483352	0	1
XLOC_006678	XLOC_006678	OR4K13	chr14:20502002-20502917	0	1
XLOC_006681	XLOC_006681	SNORD126	chr14:20779526-20801471	0	1
XLOC_006687	XLOC_006687	RNASE9	chr14:21024251-21029090	0	1
XLOC_006689	XLOC_006689	OR6S1	chr14:21108854-21109850	0	1
XLOC_006690	XLOC_006690	RNASE1	chr14:21269514-21271036	0	1
XLOC_006692	XLOC_006692	RNASE13	chr14:21500978-21502944	0	1
XLOC_006694	XLOC_006694	OR5AU1	chr14:21623095-21624184	0	1
XLOC_006703	XLOC_006703	SALL2	chr14:21989231-22005337	0	1
XLOC_006704	XLOC_006704	OR10G3	chr14:22037933-22038875	0	1
XLOC_006705	XLOC_006705	OR10G2	chr14:22102065-22102998	0	1
XLOC_006716	XLOC_006716	CEBPE	chr14:23586514-23588820	0	1
XLOC_006717	XLOC_006717	SLC7A8	chr14:23594503-23652869	0	1
XLOC_006720	XLOC_006720	SLC22A17	chr14:23815526-23822080	0	1
XLOC_006721	XLOC_006721	EFS	chr14:23825610-23834842	0	1
XLOC_006723	XLOC_006723	MIR208A	chr14:23851198-23877486	0	1
XLOC_006724	XLOC_006724	MYH7	chr14:23881946-23904870	0	1
XLOC_006725	XLOC_006725	MIR208B	chr14:23881946-23904870	0	1
XLOC_006742	XLOC_006742	RIPK3	chr14:24805226-24809242	0	1
XLOC_006745	XLOC_006745	CMA1	chr14:24974711-24977471	0	1
XLOC_006746	XLOC_006746	CTSG	chr14:25042723-25045466	0	1
XLOC_006747	XLOC_006747	GZMH	chr14:25075685-25078926	0	1
XLOC_006748	XLOC_006748	GZMB	chr14:25100160-25103432	0	1
XLOC_006750	XLOC_006750	NOVA1	chr14:26915088-27066960	0	1
XLOC_006751	XLOC_006751	MIR548A1	chr14:29896116-30396899	0	1
XLOC_006755	XLOC_006755	MIR624	chr14:31363004-31565656	0	1
XLOC_006759	XLOC_006759	GPR33	chr14:31952149-31957151	0	1
XLOC_006772	XLOC_006772	SFTA3	chr14:36942493-36982990	0	1
XLOC_006773	XLOC_006773	NKX2-1	chr14:36985603-36989430	0	1
XLOC_006774	XLOC_006774	NKX2-8	chr14:37049215-37051786	0	1
XLOC_006776	XLOC_006776	MIR4503	chr14:37147125-37642998	0	1
XLOC_006778	XLOC_006778	CLEC14A	chr14:38723204-38725575	0	1
XLOC_006779	XLOC_006779	LINC00639	chr14:39218542-39386086	0	1
XLOC_006784	XLOC_006784	FSCB	chr14:44973353-44976499	0	1
XLOC_006788	XLOC_006788	RPL10L	chr14:47120219-47121028	0	1
XLOC_006789	XLOC_006789	MDGA2	chr14:47308827-48144157	0	1
XLOC_006790	XLOC_006790	MIR548Y	chr14:48230197-48230307	0	1
XLOC_006791	XLOC_006791	LINC00648	chr14:48234155-48264217	0	1
XLOC_006808	XLOC_006808	FRMD6-AS2	chr14:51921229-52197444	0	1
XLOC_006816	XLOC_006816	MIR5580	chr14:54415144-54415202	0	1

XLOC_006821	XLOC_006821	MIR4308	chr14:55308723-55369542	0	1
XLOC_006840	XLOC_006840	C14orf39	chr14:60902673-60952764	0	1
XLOC_006844	XLOC_006844	TMEM30B	chr14:61744088-61748530	0	1
XLOC_006846	XLOC_006846	KCNH5	chr14:63173944-63568584	0	1
XLOC_006847	XLOC_006847	GPHB5	chr14:63779548-63785593	0	1
XLOC_006858	XLOC_006858	MIR4708	chr14:65801835-65801901	0	1
XLOC_006871	XLOC_006871	CCDC177	chr14:70036530-70041600	0	1
XLOC_006874	XLOC_006874	SLC8A3	chr14:70510933-70655787	0	1
XLOC_006904	XLOC_006904	RNU6-6	chr14:76737449-76737476	0	1
XLOC_006907	XLOC_006907	ZDHHC22	chr14:77597612-77608134	0	1
XLOC_006908	XLOC_006908	NGB	chr14:77731833-77737655	0	1
XLOC_006923	XLOC_006923	GALC	chr14:88399357-88460009	0	1
XLOC_006924	XLOC_006924	KCNK10	chr14:88646451-88793256	0	1
XLOC_006930	XLOC_006930	TTC7B	chr14:91006931-91282761	0	1
XLOC_006935	XLOC_006935	CATSPERB	chr14:92047117-92198413	0	1
XLOC_006946	XLOC_006946	PRIMA1	chr14:94184643-94254766	0	1
XLOC_006947	XLOC_006947	FAM181A-AS1	chr14:94371075-94395954	0	1
XLOC_006948	XLOC_006948	ASB2	chr14:94400498-94443076	0	1
XLOC_006952	XLOC_006952	SERPINA6	chr14:94770584-94789688	0	1
XLOC_006954	XLOC_006954	SERPINA11	chr14:94908800-94919122	0	1
XLOC_006955	XLOC_006955	SERPINA9	chr14:94929057-94942670	0	1
XLOC_006956	XLOC_006956	SERPINA12	chr14:94953619-94984181	0	1
XLOC_006957	XLOC_006957	GSC	chr14:95234559-95236499	0	1
XLOC_006959	XLOC_006959	MIR3173	chr14:95552564-95623759	0	1
XLOC_006962	XLOC_006962	SYNE3	chr14:95883830-95942173	0	1
XLOC_006964	XLOC_006964	TCL1A	chr14:96176303-96180533	0	1
XLOC_006966	XLOC_006966	LOC100129345	chr14:98098983-98152995	0	1
XLOC_006967	XLOC_006967	C14orf64	chr14:98391946-98444461	0	1
XLOC_006975	XLOC_006975	RTL1	chr14:101346991-101351184	0	1
XLOC_006976	XLOC_006976	DIO3OS	chr14:102018559-102022013	0	1
XLOC_006977	XLOC_006977	MIR1247	chr14:102026623-102026759	0	1
XLOC_006983	XLOC_006983	LINC00605	chr14:103653557-103655365	0	1
XLOC_006989	XLOC_006989	RD3L	chr14:104394816-104519004	0	1
XLOC_006990	XLOC_006990	MIR3545	chr14:104583741-104583851	0	1
XLOC_006991	XLOC_006991	TMEM179	chr14:105060419-105071097	0	1
XLOC_006992	XLOC_006992	MIR4710	chr14:105144030-105144086	0	1
XLOC_007000	XLOC_007000	ELK2AP	chr14:106135913-106139144	0	1
XLOC_007001	XLOC_007001	ADAM6	chr14:106435818-106438358	0	1
XLOC_007002	XLOC_007002	CHEK2P2	chr15:20487996-20496811	0	1
XLOC_007003	XLOC_007003	GOLGA8CP	chr15:20767673-20781026	0	1
XLOC_007004	XLOC_007004	CT60	chr15:21145766-21198633	0	1
XLOC_007005	XLOC_007005	OR4M2	chr15:22278031-22371088	0	1
XLOC_007006	XLOC_007006	OR4N4	chr15:22382472-22383815	0	1
XLOC_007007	XLOC_007007	OR4N3P	chr15:22413461-22414395	0	1
XLOC_007008	XLOC_007008	REREP3	chr15:22546564-22570831	0	1
XLOC_007009	XLOC_007009	GOLGA6L1	chr15:22736245-22746002	0	1
XLOC_007016	XLOC_007016	MKRN3	chr15:23810453-23813166	0	1
XLOC_007017	XLOC_007017	PWRN1	chr15:24803303-24832926	0	1
XLOC_007022	XLOC_007022	SNORD109A	chr15:25287120-25287187	0	1
XLOC_007023	XLOC_007023	SNORD116-1	chr15:25296622-25296719	0	1
XLOC_007024	XLOC_007024	SNORD116-2	chr15:25299355-25299452	0	1
XLOC_007025	XLOC_007025	SNORD116-9	chr15:25302005-25302102	0	1
XLOC_007026	XLOC_007026	SNORD116-4	chr15:25304683-25304781	0	1
XLOC_007027	XLOC_007027	SNORD116-5	chr15:25307478-25307575	0	1
XLOC_007028	XLOC_007028	SNORD116-6	chr15:25310171-25310269	0	1
XLOC_007029	XLOC_007029	SNORD116-7	chr15:25312933-25313030	0	1
XLOC_007030	XLOC_007030	SNORD116-8	chr15:25315577-25315674	0	1
XLOC_007031	XLOC_007031	SNORD116-9	chr15:25318252-25318349	0	1
XLOC_007032	XLOC_007032	SNORD116-10	chr15:25319259-25319363	0	1
XLOC_007033	XLOC_007033	SNORD116-11	chr15:25321074-25321168	0	1
XLOC_007034	XLOC_007034	SNORD116-12	chr15:25322196-25322290	0	1
XLOC_007035	XLOC_007035	SNORD116-13	chr15:25324203-25324297	0	1
XLOC_007036	XLOC_007036	SNORD116-14	chr15:25325287-25325381	0	1
XLOC_007037	XLOC_007037	SNORD116-15	chr15:25326432-25326526	0	1
XLOC_007038	XLOC_007038	SNORD116-16	chr15:25327913-25328007	0	1
XLOC_007039	XLOC_007039	SNORD116-17	chr15:25328733-25328827	0	1
XLOC_007040	XLOC_007040	SNORD116-18	chr15:25330530-25330624	0	1
XLOC_007041	XLOC_007041	SNORD116-19	chr15:25331672-25331766	0	1
XLOC_007042	XLOC_007042	SNORD116-20	chr15:25332807-25332901	0	1
XLOC_007043	XLOC_007043	SNORD116-21	chr15:25333949-25334043	0	1
XLOC_007044	XLOC_007044	SNORD116-22	chr15:25335068-25335162	0	1
XLOC_007045	XLOC_007045	SNORD116-23	chr15:25336931-25337025	0	1
XLOC_007046	XLOC_007046	SNORD116-24	chr15:25339182-25339276	0	1
XLOC_007047	XLOC_007047	SNORD116-25	chr15:25342808-25342902	0	1
XLOC_007048	XLOC_007048	SNORD116-26	chr15:25344644-25344742	0	1
XLOC_007049	XLOC_007049	SNORD116-27	chr15:25346720-25346814	0	1
XLOC_007050	XLOC_007050	SNORD116-28	chr15:25349787-25349880	0	1
XLOC_007051	XLOC_007051	SNORD116-29	chr15:25351666-25351751	0	1
XLOC_007052	XLOC_007052	IPW	chr15:25361691-25367623	0	1

XLOC_007053	XLOC_007053	PAR1	chr15:25380788-25383200	0	1
XLOC_007054	XLOC_007054	SNORD115-1	chr15:25415869-25415951	0	1
XLOC_007055	XLOC_007055	SNORD115-2	chr15:25417781-25417863	0	1
XLOC_007056	XLOC_007056	SNORD115-3	chr15:25420073-25420155	0	1
XLOC_007057	XLOC_007057	SNORD115-4	chr15:25421978-25422060	0	1
XLOC_007058	XLOC_007058	SNORD115-5	chr15:25423884-25423966	0	1
XLOC_007059	XLOC_007059	SNORD115-6	chr15:25425643-25425725	0	1
XLOC_007060	XLOC_007060	SNORD115-7	chr15:25427531-25427613	0	1
XLOC_007061	XLOC_007061	SNORD115-8	chr15:25429452-25429534	0	1
XLOC_007062	XLOC_007062	SNORD115-9	chr15:25430777-25430859	0	1
XLOC_007063	XLOC_007063	SNORD115-10	chr15:25432682-25432763	0	1
XLOC_007064	XLOC_007064	SNORD115-43	chr15:25434560-25434642	0	1
XLOC_007065	XLOC_007065	SNORD115-10	chr15:25436562-25436644	0	1
XLOC_007066	XLOC_007066	SNORD115-13	chr15:25438467-25438549	0	1
XLOC_007067	XLOC_007067	SNORD115-14	chr15:25440067-25440148	0	1
XLOC_007068	XLOC_007068	SNORD115-16	chr15:25444594-25444676	0	1
XLOC_007069	XLOC_007069	SNORD115-18	chr15:25446469-25446551	0	1
XLOC_007070	XLOC_007070	SNORD115-18	chr15:25448373-25448455	0	1
XLOC_007071	XLOC_007071	SNORD115-17	chr15:25449503-25449585	0	1
XLOC_007072	XLOC_007072	SNORD115-15,SNORD115-20,Sh	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007073	XLOC_007073	SNORD115-22	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007074	XLOC_007074	PAR4	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007075	XLOC_007075	SNORD115-24	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007076	XLOC_007076	SNORD115-25	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007077	XLOC_007077	SNORD115-26	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007078	XLOC_007078	SNORD115-27	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007079	XLOC_007079	SNORD115-28	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007080	XLOC_007080	SNORD115-11	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007081	XLOC_007081	SNORD115-30	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007082	XLOC_007082	SNORD115-31	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007083	XLOC_007083	SNORD115-32	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007084	XLOC_007084	SNORD115-33	chr15:25451408-25477615	0	1
XLOC_007085	XLOC_007085	SNORD115-35	chr15:25479393-25479475	0	1
XLOC_007086	XLOC_007086	SNORD115-11	chr15:25481231-25481313	0	1
XLOC_007087	XLOC_007087	SNORD115-37	chr15:25483132-25483214	0	1
XLOC_007088	XLOC_007088	SNORD115-38	chr15:25484984-25485066	0	1
XLOC_007089	XLOC_007089	SNORD115-39	chr15:25486892-25486974	0	1
XLOC_007090	XLOC_007090	SNORD115-40	chr15:25488760-25488842	0	1
XLOC_007091	XLOC_007091	SNORD115-41	chr15:25490624-25490706	0	1
XLOC_007092	XLOC_007092	SNORD115-10	chr15:25492491-25492573	0	1
XLOC_007093	XLOC_007093	SNORD115-11	chr15:25494344-25494426	0	1
XLOC_007094	XLOC_007094	SNORD115-44	chr15:25496005-25496087	0	1
XLOC_007095	XLOC_007095	SNORD115-45	chr15:25509673-25509726	0	1
XLOC_007096	XLOC_007096	SNORD115-47	chr15:25513663-25513696	0	1
XLOC_007097	XLOC_007097	SNORD115-48	chr15:25514929-25515005	0	1
XLOC_007098	XLOC_007098	SNORD109B	chr15:25523489-25523556	0	1
XLOC_007099	XLOC_007099	LOC100128714	chr15:26147506-26298267	0	1
XLOC_007100	XLOC_007100	LOC503519	chr15:26360959-26378184	0	1
XLOC_007101	XLOC_007101	GABRA5	chr15:27111865-27194357	0	1
XLOC_007102	XLOC_007102	GABRG3	chr15:27216428-2778373	0	1
XLOC_007103	XLOC_007103	GOLGA8F,GOLGA8G	chr15:28623783-28637171	0	1
XLOC_007104	XLOC_007104	MIR4509-1	chr15:28671636-28671730	0	1
XLOC_007107	XLOC_007107	LOC100289656	chr15:29033388-29034538	0	1
XLOC_007110	XLOC_007110	ULK4P3	chr15:30395934-30423948	0	1
XLOC_007113	XLOC_007113	ULK4P2	chr15:30864757-30892911	0	1
XLOC_007122	XLOC_007122	GREM1	chr15:33010204-33026870	0	1
XLOC_007130	XLOC_007130	MIR4510	chr15:36219056-36219124	0	1
XLOC_007132	XLOC_007132	TMCO5A	chr15:38227456-38243623	0	1
XLOC_007135	XLOC_007135	C15orf53	chr15:38988798-38992239	0	1
XLOC_007136	XLOC_007136	C15orf54	chr15:39542884-39547048	0	1
XLOC_007137	XLOC_007137	THBS1	chr15:39873279-39889668	0	1
XLOC_007141	XLOC_007141	PHGR1	chr15:40643233-40648634	0	1
XLOC_007164	XLOC_007164	MIR626	chr15:41952609-42062141	0	1
XLOC_007174	XLOC_007174	ADAL	chr15:43622871-43646096	0	1
XLOC_007176	XLOC_007176	RNU6-28	chr15:43663312-43910998	0	1
XLOC_007188	XLOC_007188	C15orf43	chr15:45248899-45271421	0	1
XLOC_007190	XLOC_007190	DUOXA2	chr15:45406522-45422075	0	1
XLOC_007199	XLOC_007199	SEMA6D	chr15:47476402-48066420	0	1
XLOC_007200	XLOC_007200	SLC24A5	chr15:48413168-48470558	0	1
XLOC_007201	XLOC_007201	CTXN2	chr15:48483866-48495951	0	1
XLOC_007202	XLOC_007202	SLC12A1	chr15:48498497-48596275	0	1
XLOC_007211	XLOC_007211	MIR4712	chr15:50652525-50652607	0	1
XLOC_007215	XLOC_007215	MIR4713	chr15:51500253-51630795	0	1
XLOC_007216	XLOC_007216	GLDN	chr15:51633712-51700209	0	1
XLOC_007221	XLOC_007221	UNC13C	chr15:54305100-54920806	0	1
XLOC_007229	XLOC_007229	AQP9	chr15:58430407-58478110	0	1
XLOC_007230	XLOC_007230	LIPC	chr15:58724174-58861073	0	1
XLOC_007237	XLOC_007237	FOXB1	chr15:60296420-60298142	0	1
XLOC_007240	XLOC_007240	MIR190A	chr15:62939509-63136829	0	1

XLOC_007254	XLOC_007254	KBTBD13	chr15:65369153-65372276	0	1
XLOC_007258	XLOC_007258	MIR4311	chr15:66187633-66546075	0	1
XLOC_007271	XLOC_007271	MIR548H4	chr15:69116302-69564544	0	1
XLOC_007272	XLOC_007272	NOX5.SPESP1	chr15:69116302-69564544	0	1
XLOC_007273	XLOC_007273	LINC00277	chr15:69116302-69564544	0	1
XLOC_007279	XLOC_007279	LINC00593	chr15:70127572-70135306	0	1
XLOC_007285	XLOC_007285	TMEM202	chr15:72690667-72700708	0	1
XLOC_007287	XLOC_007287	MIR630	chr15:72879557-72879654	0	1
XLOC_007288	XLOC_007288	GOLGA6B	chr15:72947037-72959738	0	1
XLOC_007292	XLOC_007292	C15orf60	chr15:73735498-73925753	0	1
XLOC_007294	XLOC_007294	TBC1D21	chr15:74165967-74181556	0	1
XLOC_007297	XLOC_007297	ISLR2	chr15:74421714-74429143	0	1
XLOC_007298	XLOC_007298	ISLR	chr15:74466086-74469212	0	1
XLOC_007299	XLOC_007299	CCDC33	chr15:74528629-74628482	0	1
XLOC_007313	XLOC_007313	GOLGA6D	chr15:75575181-75588148	0	1
XLOC_007325	XLOC_007325	LOC253044	chr15:77934105-77941581	0	1
XLOC_007326	XLOC_007326	MIR5003	chr15:78375874-78375901	0	1
XLOC_007330	XLOC_007330	CRABP1	chr15:78632665-78640572	0	1
XLOC_007337	XLOC_007337	MIR184	chr15:79484048-79590581	0	1
XLOC_007338	XLOC_007338	ANKRD34C	chr15:79484048-79590581	0	1
XLOC_007351	XLOC_007351	LOC390660	chr15:82585620-82626915	0	1
XLOC_007352	XLOC_007352	UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	chr15:82647285-82708204	0	1
XLOC_007353	XLOC_007353	GOLGA6L9	chr15:82722184-82731586	0	1
XLOC_007354	XLOC_007354	LOC440297	chr15:82753446-82798352	0	1
XLOC_007355	XLOC_007355	LOC390660	chr15:82882945-82924242	0	1
XLOC_007359	XLOC_007359	LOC440297	chr15:83130032-83182930	0	1
XLOC_007360	XLOC_007360	LOC283692	chr15:83211950-83378635	0	1
XLOC_007361	XLOC_007361	SCARNA15	chr15:83424696-83424823	0	1
XLOC_007364	XLOC_007364	MIR4515	chr15:83685180-83736167	0	1
XLOC_007365	XLOC_007365	TM6SF1	chr15:83776323-83806111	0	1
XLOC_007367	XLOC_007367	ADAMTSL3	chr15:84322837-84708593	0	1
XLOC_007368	XLOC_007368	EFTUD1P1	chr15:84748938-84795353	0	1
XLOC_007381	XLOC_007381	AGBL1	chr15:86685241-87572283	0	1
XLOC_007382	XLOC_007382	LINC00052	chr15:88120159-88122917	0	1
XLOC_007383	XLOC_007383	NTRK3-AS1	chr15:88419987-88814297	0	1
XLOC_007385	XLOC_007385	MIR1179	chr15:89151337-89151428	0	1
XLOC_007386	XLOC_007386	MIR7-2	chr15:89155055-89155165	0	1
XLOC_007389	XLOC_007389	ACAN	chr15:89346673-89418585	0	1
XLOC_007392	XLOC_007392	MIR9-3	chr15:89911247-89911337	0	1
XLOC_007393	XLOC_007393	LOC254559	chr15:89921272-89941718	0	1
XLOC_007414	XLOC_007414	ST8SIA2	chr15:92937139-93011958	0	1
XLOC_007415	XLOC_007415	C15orf32	chr15:93014906-93044347	0	1
XLOC_007419	XLOC_007419	MIR3175	chr15:93443550-93571237	0	1
XLOC_007424	XLOC_007424	MIR1469	chr15:96869156-96883492	0	1
XLOC_007425	XLOC_007425	SPATA8	chr15:97326678-97328845	0	1
XLOC_007428	XLOC_007428	MIR4714	chr15:99192760-99507759	0	1
XLOC_007436	XLOC_007436	OR4F6	chr15:102345922-102346861	0	1
XLOC_007437	XLOC_007437	OR4F15	chr15:102358389-102359328	0	1
XLOC_007438	XLOC_007438	OR4F13P	chr15:102382321-102390527	0	1
XLOC_007439	XLOC_007439	FAM138E	chr15:102495087-102496558	0	1
XLOC_007442	XLOC_007442	GOLGA6L6	chr15:20737093-20747114	0	1
XLOC_007444	XLOC_007444	POTEB	chr15:21040700-21071977	0	1
XLOC_007445	XLOC_007445	NF1P2	chr15:21122020-21134625	0	1
XLOC_007447	XLOC_007447	CXADRP2	chr15:22014419-22016878	0	1
XLOC_007448	XLOC_007448	POTEB	chr15:22051852-22083137	0	1
XLOC_007449	XLOC_007449	NF1P2	chr15:22133180-22145802	0	1
XLOC_007450	XLOC_007450	MIR4509-3	chr15:22675147-22675241	0	1
XLOC_007457	XLOC_007457	LOC440243	chr15:23569671-23579379	0	1
XLOC_007458	XLOC_007458	MIR4508	chr15:23807208-23807278	0	1
XLOC_007459	XLOC_007459	MAGEL2	chr15:23888695-23892993	0	1
XLOC_007460	XLOC_007460	NDN	chr15:23930553-23932450	0	1
XLOC_007461	XLOC_007461	PWRN2	chr15:24409925-24415053	0	1
XLOC_007463	XLOC_007463	ATP10A	chr15:25923859-26108349	0	1
XLOC_007464	XLOC_007464	MIR4715	chr15:25923859-26108349	0	1
XLOC_007468	XLOC_007468	MIR4509-1	chr15:28735897-28735991	0	1
XLOC_007469	XLOC_007469	GOLGA8F,GOLGA8G	chr15:28764756-28778143	0	1
XLOC_007470	XLOC_007470	GOLGA6L7P	chr15:29034979-29101720	0	1
XLOC_007471	XLOC_007471	FAM189A1	chr15:29412454-29862927	0	1
XLOC_007476	XLOC_007476	TRPM1	chr15:31293263-31453476	0	1
XLOC_007477	XLOC_007477	MIR211	chr15:31293263-31453476	0	1
XLOC_007478	XLOC_007478	LOC283710	chr15:31514970-31523050	0	1
XLOC_007483	XLOC_007483	TMCO5B	chr15:33528676-33539756	0	1
XLOC_007491	XLOC_007491	MIR1233-2	chr15:34671269-34729667	0	1
XLOC_007493	XLOC_007493	MIR1233-1	chr15:34817483-34875771	0	1
XLOC_007494	XLOC_007494	GJD2	chr15:35044641-35046782	0	1
XLOC_007499	XLOC_007499	MIR3942	chr15:35663169-36151202	0	1
XLOC_007501	XLOC_007501	LOC145845	chr15:37156643-37178734	0	1
XLOC_007526	XLOC_007526	MIR4310	chr15:42120282-42186275	0	1
XLOC_007530	XLOC_007530	PLA2G4F	chr15:42433331-42448839	0	1

XLOC_007532	XLOC_007532	MIR627	chr15:42450898-42500502	0	1
XLOC_007539	XLOC_007539	EPB42	chr15:43489425-43513323	0	1
XLOC_007540	XLOC_007540	TGM5	chr15:43524792-43559055	0	1
XLOC_007541	XLOC_007541	TGM7	chr15:43568478-43594453	0	1
XLOC_007542	XLOC_007542	LCMT2	chr15:43619973-43622820	0	1
XLOC_007569	XLOC_007569	MIR4716	chr15:49447975-49913118	0	1
XLOC_007579	XLOC_007579	CYP19A1	chr15:51500253-51630795	0	1
XLOC_007586	XLOC_007586	MIR1266	chr15:52484514-52587995	0	1
XLOC_007591	XLOC_007591	WDR72	chr15:53805937-54051859	0	1
XLOC_007595	XLOC_007595	MIR628	chr15:55611132-55800432	0	1
XLOC_007596	XLOC_007596	PYGO1	chr15:55838220-55881050	0	1
XLOC_007597	XLOC_007597	PRTG	chr15:55903738-56035177	0	1
XLOC_007603	XLOC_007603	ALDH1A2	chr15:58245621-58358121	0	1
XLOC_007608	XLOC_007608	MIR2116	chr15:59428167-59665071	0	1
XLOC_007615	XLOC_007615	C2CD4B	chr15:62455736-62457482	0	1
XLOC_007616	XLOC_007616	MGC15885	chr15:62929370-62937380	0	1
XLOC_007628	XLOC_007628	MIR1272	chr15:65032094-65067770	0	1
XLOC_007632	XLOC_007632	RASL12	chr15:65337707-65360388	0	1
XLOC_007643	XLOC_007643	MIR4511	chr15:65952956-66084631	0	1
XLOC_007649	XLOC_007649	SNORD18C	chr15:66791652-66797193	0	1
XLOC_007650	XLOC_007650	SNORD18B	chr15:66791652-66797193	0	1
XLOC_007651	XLOC_007651	SNORD16	chr15:66791652-66797193	0	1
XLOC_007652	XLOC_007652	SNORD18A	chr15:66791652-66797193	0	1
XLOC_007660	XLOC_007660	MIR4312	chr15:69070874-69113261	0	1
XLOC_007663	XLOC_007663	MIR629	chr15:70340542-70390256	0	1
XLOC_007665	XLOC_007665	LARP6	chr15:71123888-71146498	0	1
XLOC_007667	XLOC_007667	CT62	chr15:71402582-71407839	0	1
XLOC_007669	XLOC_007669	GRAMD2	chr15:72452146-72490136	0	1
XLOC_007676	XLOC_007676	HCN4	chr15:73612199-73661605	0	1
XLOC_007678	XLOC_007678	C15orf59	chr15:74032140-74043816	0	1
XLOC_007681	XLOC_007681	GOLGA6A	chr15:74362197-74374891	0	1
XLOC_007684	XLOC_007684	CYP11A1	chr15:74630102-74660081	0	1
XLOC_007689	XLOC_007689	MIR4513	chr15:75074424-75095539	0	1
XLOC_007695	XLOC_007695	MIR631	chr15:75639330-75647592	0	1
XLOC_007703	XLOC_007703	MIR4313	chr15:76054555-76054656	0	1
XLOC_007712	XLOC_007712	LINGO1	chr15:77905368-77924709	0	1
XLOC_007713	XLOC_007713	LOC645752	chr15:78206558-78219188	0	1
XLOC_007720	XLOC_007720	CHRN4	chr15:78916635-78933587	0	1
XLOC_007721	XLOC_007721	ADAMTS7	chr15:79051544-79103773	0	1
XLOC_007724	XLOC_007724	LOC729911	chr15:79484048-79590581	0	1
XLOC_007727	XLOC_007727	LOC283688	chr15:80555409-80634147	0	1
XLOC_007728	XLOC_007728	MIR549	chr15:81071711-81243999	0	1
XLOC_007730	XLOC_007730	MIR4514	chr15:81289757-81289814	0	1
XLOC_007738	XLOC_007738	LOC440297	chr15:82944792-82986427	0	1
XLOC_007743	XLOC_007743	AP3B2	chr15:83211950-83378635	0	1
XLOC_007750	XLOC_007750	HGFRP3	chr15:83806803-83876770	0	1
XLOC_007751	XLOC_007751	BNC1	chr15:83924654-83953468	0	1
XLOC_007758	XLOC_007758	LOC642423	chr15:85747906-85748518	0	1
XLOC_007760	XLOC_007760	MIR1276	chr15:86302558-86338189	0	1
XLOC_007761	XLOC_007761	LOC727915	chr15:86685241-87572283	0	1
XLOC_007762	XLOC_007762	NTRK3	chr15:88419987-88814297	0	1
XLOC_007765	XLOC_007765	MIR3529	chr15:89155055-89155165	0	1
XLOC_007768	XLOC_007768	RLBP1	chr15:89753097-89764922	0	1
XLOC_007770	XLOC_007770	RHCG	chr15:90014637-90039799	0	1
XLOC_007771	XLOC_007771	LOC283761	chr15:90048160-90067265	0	1
XLOC_007778	XLOC_007778	MIR5094	chr15:90373830-90456222	0	1
XLOC_007781	XLOC_007781	GABARAPL3	chr15:90889762-90892679	0	1
XLOC_007787	XLOC_007787	RGMA	chr15:93586635-93632443	0	1
XLOC_007788	XLOC_007788	LOC400456	chr15:95822518-95870329	0	1
XLOC_007790	XLOC_007790	FAM169B	chr15:98980390-99057611	0	1
XLOC_007794	XLOC_007794	DNM1P46	chr15:100330360-100347132	0	1
XLOC_007806	XLOC_007806	OR4F4	chr15:102462344-102463262	0	1
XLOC_007807	XLOC_007807	DDX11L9	chr15:102501015-102519296	0	1
XLOC_007808	XLOC_007808	DDX11L10	chr16:61554-64090	0	1
XLOC_007812	XLOC_007812	HBM	chr16:215972-216767	0	1
XLOC_007815	XLOC_007815	HBQ1	chr16:230332-231178	0	1
XLOC_007824	XLOC_007824	MIR5587	chr16:577855-604636	0	1
XLOC_007825	XLOC_007825	MIR3176	chr16:577855-604636	0	1
XLOC_007840	XLOC_007840	MIR662	chr16:820182-820277	0	1
XLOC_007846	XLOC_007846	TPSAB1	chr16:1290677-1292555	0	1
XLOC_007847	XLOC_007847	TPSD1	chr16:1306272-1308494	0	1
XLOC_007856	XLOC_007856	MIR3177	chr16:1756220-1820318	0	1
XLOC_007863	XLOC_007863	RNF151	chr16:2016874-2018976	0	1
XLOC_007870	XLOC_007870	MIR4516	chr16:2097989-2185899	0	1
XLOC_007876	XLOC_007876	MIR3677	chr16:2320713-2320773	0	1
XLOC_007877	XLOC_007877	MIR940	chr16:2321747-2321841	0	1
XLOC_007878	XLOC_007878	MIR4717	chr16:2324620-2324692	0	1
XLOC_007882	XLOC_007882	NTN3	chr16:2521499-2524146	0	1
XLOC_007891	XLOC_007891	PRSS41	chr16:2848485-2855133	0	1

XLOC_007892	XLOC_007892	PRSS21	chr16:2867163-2871723	0	1
XLOC_007893	XLOC_007893	ZG16B	chr16:2880172-2882285	0	1
XLOC_007907	XLOC_007907	OR1F1	chr16:3254246-3255185	0	1
XLOC_007908	XLOC_007908	OR1F2P	chr16:3265561-3266546	0	1
XLOC_007912	XLOC_007912	OR2C1	chr16:3405888-3406924	0	1
XLOC_007930	XLOC_007930	RBFOX1	chr16:6069131-7763340	0	1
XLOC_007935	XLOC_007935	MIR548X	chr16:9328773-9328803	0	1
XLOC_007944	XLOC_007944	MIR4718	chr16:12753655-12897744	0	1
XLOC_007948	XLOC_007948	MIR193B	chr16:14397823-14397906	0	1
XLOC_007949	XLOC_007949	MIR365A	chr16:14403141-14403228	0	1
XLOC_007952	XLOC_007952	MIR3179-3	chr16:14995364-14995448	0	1
XLOC_007953	XLOC_007953	MIR3180-3	chr16:15005076-15005170	0	1
XLOC_007961	XLOC_007961	MIR3179-1	chr16:16394015-16394099	0	1
XLOC_007962	XLOC_007962	MIR3180-1	chr16:16403731-16403825	0	1
XLOC_007964	XLOC_007964	ABCC6P1	chr16:18582569-18609607	0	1
XLOC_007969	XLOC_007969	CLEC19A	chr16:19297104-19322269	0	1
XLOC_007975	XLOC_007975	ACSM2A	chr16:20462858-20498991	0	1
XLOC_007993	XLOC_007993	MIR548D2	chr16:22729602-22803363	0	1
XLOC_007995	XLOC_007995	SCNN1G	chr16:23194039-23228200	0	1
XLOC_007996	XLOC_007996	SCNN1B	chr16:23313590-23392620	0	1
XLOC_008000	XLOC_008000	CHP2	chr16:23765947-23770256	0	1
XLOC_008002	XLOC_008002	CACNG3	chr16:24266873-24373737	0	1
XLOC_008009	XLOC_008009	HS3ST4	chr16:25703346-26149009	0	1
XLOC_008010	XLOC_008010	C16orf82	chr16:27078218-27080487	0	1
XLOC_008025	XLOC_008025	MIR4517	chr16:28962317-28977767	0	1
XLOC_008030	XLOC_008030	LOC606724	chr16:29460665-29461236	0	1
XLOC_008031	XLOC_008031	SLX1A,SLX1B,SULT1A3	chr16:29464913-29478899	0	1
XLOC_008034	XLOC_008034	ZG16	chr16:29789560-29792969	0	1
XLOC_008044	XLOC_008044	C16orf92	chr16:30034654-30042186	0	1
XLOC_008053	XLOC_008053	MIR4518	chr16:30483982-30534506	0	1
XLOC_008079	XLOC_008079	AHSP	chr16:31539202-31540124	0	1
XLOC_008083	XLOC_008083	TP53TG3D	chr16:32264649-32267243	0	1
XLOC_008084	XLOC_008084	TP53TG3,TP53TG3B	chr16:33205584-33208179	0	1
XLOC_008085	XLOC_008085	TP53TG3,TP53TG3B	chr16:33262119-33264719	0	1
XLOC_008086	XLOC_008086	LOC283914	chr16:34597786-34626084	0	1
XLOC_008091	XLOC_008091	MIR548AE2	chr16:48274602-48420559	0	1
XLOC_008094	XLOC_008094	C16orf78	chr16:49407807-49433319	0	1
XLOC_008107	XLOC_008107	MMP2	chr16:55513080-55540586	0	1
XLOC_008110	XLOC_008110	SLC6A2	chr16:55689541-55740104	0	1
XLOC_008111	XLOC_008111	CES1P2	chr16:55758836-55784123	0	1
XLOC_008112	XLOC_008112	CES1P1	chr16:55794510-55808826	0	1
XLOC_008114	XLOC_008114	MIR3935	chr16:56225250-56391356	0	1
XLOC_008116	XLOC_008116	MT4	chr16:56598960-56602869	0	1
XLOC_008117	XLOC_008117	MT3	chr16:56623266-56625000	0	1
XLOC_008131	XLOC_008131	MIR138-2	chr16:56892429-56892513	0	1
XLOC_008132	XLOC_008132	SLC12A3	chr16:56899118-56949762	0	1
XLOC_008134	XLOC_008134	CETP	chr16:56995834-57017756	0	1
XLOC_008140	XLOC_008140	CX3CL1	chr16:57406413-57418956	0	1
XLOC_008141	XLOC_008141	CCL17	chr16:57438678-57449974	0	1
XLOC_008149	XLOC_008149	TEPP	chr16:58010338-58022017	0	1
XLOC_008176	XLOC_008176	LRRC36	chr16:67360746-67419109	0	1
XLOC_008196	XLOC_008196	CDH1	chr16:68771194-68869444	0	1
XLOC_008206	XLOC_008206	MIR140	chr16:69796186-69975644	0	1
XLOC_008208	XLOC_008208	MIR1972-2	chr16:70010201-70099851	0	1
XLOC_008215	XLOC_008215	SNORD111B	chr16:70557690-70611571	0	1
XLOC_008216	XLOC_008216	SNORD111	chr16:70557690-70611571	0	1
XLOC_008220	XLOC_008220	CHST4	chr16:71560022-71572493	0	1
XLOC_008226	XLOC_008226	HPR	chr16:72097124-72111145	0	1
XLOC_008228	XLOC_008228	HTA	chr16:73126247-73127672	0	1
XLOC_008229	XLOC_008229	LOC100506172	chr16:73420703-73455295	0	1
XLOC_008233	XLOC_008233	CTRB1	chr16:75252883-75258822	0	1
XLOC_008236	XLOC_008236	CNTNAP4	chr16:76311175-76593135	0	1
XLOC_008237	XLOC_008237	MIR4719	chr16:76902832-76902916	0	1
XLOC_008241	XLOC_008241	CLEC3A	chr16:78056442-78066001	0	1
XLOC_008243	XLOC_008243	DYNLRB2	chr16:80574853-80584541	0	1
XLOC_008246	XLOC_008246	BCMO1	chr16:81272295-81324747	0	1
XLOC_008248	XLOC_008248	MIR4720	chr16:81418622-81418698	0	1
XLOC_008252	XLOC_008252	HSD17B2	chr16:82068857-82132139	0	1
XLOC_008254	XLOC_008254	MIR3182	chr16:82660398-83830215	0	1
XLOC_008260	XLOC_008260	ADAD2	chr16:84224722-84230772	0	1
XLOC_008261	XLOC_008261	WFDC1	chr16:84328400-84363450	0	1
XLOC_008267	XLOC_008267	LOC400548	chr16:85170755-85183049	0	1
XLOC_008271	XLOC_008271	IRF8	chr16:85932773-85956211	0	1
XLOC_008272	XLOC_008272	LOC146513	chr16:86320036-86326995	0	1
XLOC_008282	XLOC_008282	MIR5189	chr16:88520013-88601574	0	1
XLOC_008330	XLOC_008330	TPSG1	chr16:1203240-1275254	0	1
XLOC_008331	XLOC_008331	TPSB2	chr16:1278335-1280185	0	1
XLOC_008345	XLOC_008345	LINC00254	chr16:1928285-1934232	0	1
XLOC_008346	XLOC_008346	HS3ST6	chr16:1961464-1968231	0	1

XLOC_008356	XLOC_008356	MIR1225	chr16:2097989-2185899	0	1
XLOC_008357	XLOC_008357	MIR3180-5	chr16:2185977-2186130	0	1
XLOC_008358	XLOC_008358	SNORD60	chr16:2205023-2205106	0	1
XLOC_008366	XLOC_008366	MIR3178	chr16:2581922-2582006	0	1
XLOC_008386	XLOC_008386	C16orf90	chr16:3543483-3545421	0	1
XLOC_008408	XLOC_008408	TMEM114	chr16:8619501-8622226	0	1
XLOC_008412	XLOC_008412	GRIN2A	chr16:9847264-10276611	0	1
XLOC_008418	XLOC_008418	TNP2	chr16:11361713-11363160	0	1
XLOC_008419	XLOC_008419	PRM3	chr16:11367143-11367452	0	1
XLOC_008420	XLOC_008420	PRM2	chr16:11369492-11370337	0	1
XLOC_008421	XLOC_008421	PRM1	chr16:11374692-11375192	0	1
XLOC_008431	XLOC_008431	ABCC6P2	chr16:14916288-14918559	0	1
XLOC_008434	XLOC_008434	MIR3180-4	chr16:15248706-15248859	0	1
XLOC_008440	XLOC_008440	MIR3180-1	chr16:18496034-18496128	0	1
XLOC_008441	XLOC_008441	MIR3179-1	chr16:18505750-18505834	0	1
XLOC_008448	XLOC_008448	GPRC5B	chr16:19870292-19896151	0	1
XLOC_008449	XLOC_008449	GPR139	chr16:20043042-20085100	0	1
XLOC_008450	XLOC_008450	GP2	chr16:20321810-20338835	0	1
XLOC_008451	XLOC_008451	UMOD	chr16:20344372-20364037	0	1
XLOC_008452	XLOC_008452	PDILT	chr16:20370491-20416033	0	1
XLOC_008453	XLOC_008453	ACSM2B	chr16:20548082-20587695	0	1
XLOC_008459	XLOC_008459	ZP2	chr16:21208772-21222868	0	1
XLOC_008465	XLOC_008465	IGSF6	chr16:21610855-21668792	0	1
XLOC_008470	XLOC_008470	MIR548AA2	chr16:22729602-22803363	0	1
XLOC_008488	XLOC_008488	IL27	chr16:28510682-28518155	0	1
XLOC_008495	XLOC_008495	BOLA2B	chr16:29464913-29478899	0	1
XLOC_008496	XLOC_008496	LOC388242	chr16:29464913-29478899	0	1
XLOC_008510	XLOC_008510	BOLA2B	chr16:30204255-30218248	0	1
XLOC_008528	XLOC_008528	MIR4519	chr16:30886586-30886644	0	1
XLOC_008539	XLOC_008539	COX6A2	chr16:31439051-31439749	0	1
XLOC_008544	XLOC_008544	LOC390705	chr16:32300867-32301302	0	1
XLOC_008545	XLOC_008545	TP53TG3	chr16:32684848-32687448	0	1
XLOC_008547	XLOC_008547	LOC390705	chr16:33298267-33298702	0	1
XLOC_008548	XLOC_008548	RNU6-76	chr16:33463506-33563243	0	1
XLOC_008551	XLOC_008551	LOC146481	chr16:34711784-34714967	0	1
XLOC_008552	XLOC_008552	LOC100130700	chr16:34739458-34740840	0	1
XLOC_008561	XLOC_008561	ABCC12	chr16:48116883-48180681	0	1
XLOC_008565	XLOC_008565	CBLN1	chr16:49311828-49315742	0	1
XLOC_008569	XLOC_008569	SALL1	chr16:51169885-51185183	0	1
XLOC_008570	XLOC_008570	C16orf97	chr16:52060263-52107847	0	1
XLOC_008571	XLOC_008571	LOC100505619	chr16:52116976-52119021	0	1
XLOC_008572	XLOC_008572	TOX3	chr16:52471917-52581714	0	1
XLOC_008573	XLOC_008573	LOC643714	chr16:52585998-52640887	0	1
XLOC_008574	XLOC_008574	LOC643802	chr16:53403273-53405041	0	1
XLOC_008577	XLOC_008577	IRX3	chr16:54317211-54320378	0	1
XLOC_008579	XLOC_008579	CES1	chr16:55836763-55867075	0	1
XLOC_008580	XLOC_008580	CES5A	chr16:55880065-55989943	0	1
XLOC_008581	XLOC_008581	LOC283856	chr16:56126898-56225006	0	1
XLOC_008582	XLOC_008582	DKFZP434H168	chr16:56225250-56391356	0	1
XLOC_008603	XLOC_008603	LOC644649	chr16:59788044-59789095	0	1
XLOC_008604	XLOC_008604	CDH8	chr16:61685914-62070739	0	1
XLOC_008612	XLOC_008612	CDH16	chr16:66942024-66952887	0	1
XLOC_008619	XLOC_008619	MIR328	chr16:67233027-67237927	0	1
XLOC_008626	XLOC_008626	AGRP	chr16:67516473-67517716	0	1
XLOC_008635	XLOC_008635	DPEP3	chr16:68009565-68014452	0	1
XLOC_008645	XLOC_008645	MIR1538	chr16:69599710-69599771	0	1
XLOC_008663	XLOC_008663	SNORA70D	chr16:71678851-71748704	0	1
XLOC_008665	XLOC_008665	SNORD71	chr16:71762904-71842976	0	1
XLOC_008679	XLOC_008679	CTRB2	chr16:75237993-75241072	0	1
XLOC_008688	XLOC_008688	ADAMTS18	chr16:77316024-77469011	0	1
XLOC_008695	XLOC_008695	SDR42E1	chr16:82031250-82045093	0	1
XLOC_008701	XLOC_008701	KCNG4	chr16:84254740-84273356	0	1
XLOC_008705	XLOC_008705	FAM92B	chr16:85131964-85146114	0	1
XLOC_008706	XLOC_008706	MIR5093	chr16:85339831-85339931	0	1
XLOC_008709	XLOC_008709	MIR1910	chr16:85741123-85784689	0	1
XLOC_008711	XLOC_008711	LOC732275	chr16:86365455-86379285	0	1
XLOC_008719	XLOC_008719	CA5A	chr16:87921624-87970112	0	1
XLOC_008725	XLOC_008725	MIR4722	chr16:88772890-88851372	0	1
XLOC_008741	XLOC_008741	LOC100506388	chr17:62179-202633	0	1
XLOC_008747	XLOC_008747	BHLHA9	chr17:1173857-1174565	0	1
XLOC_008760	XLOC_008760	OR1A2	chr17:3100812-3101742	0	1
XLOC_008761	XLOC_008761	OR1A1	chr17:3118914-3119844	0	1
XLOC_008762	XLOC_008762	OR1D4	chr17:3143969-3144559	0	1
XLOC_008763	XLOC_008763	OR3A4P	chr17:3213538-3214740	0	1
XLOC_008764	XLOC_008764	OR3A3	chr17:3323861-3324827	0	1
XLOC_008765	XLOC_008765	ASPA	chr17:3377403-3402700	0	1
XLOC_008776	XLOC_008776	TM4SF5	chr17:4675186-4686506	0	1
XLOC_008788	XLOC_008788	LOC100130950	chr17:5095378-5138931	0	1
XLOC_008793	XLOC_008793	WSCD1	chr17:5973933-6027747	0	1

XLOC_008797	XLOC_008797	MIR4520B	chr17:6558758-6558828	0	1
XLOC_008798	XLOC_008798	ALOX15P1	chr17:6561037-6564701	0	1
XLOC_008800	XLOC_008800	FBXO39	chr17:6679551-6690965	0	1
XLOC_008801	XLOC_008801	ALOX12P2	chr17:6756894-6803668	0	1
XLOC_008812	XLOC_008812	TMEM95	chr17:7258496-7260538	0	1
XLOC_008833	XLOC_008833	RPL29P2	chr17:7623038-7737058	0	1
XLOC_008838	XLOC_008838	SCARNA21	chr17:7788122-7816075	0	1
XLOC_008842	XLOC_008842	MIR4314	chr17:7991373-7991465	0	1
XLOC_008843	XLOC_008843	MIR4521	chr17:8090262-8090322	0	1
XLOC_008844	XLOC_008844	MIR3676	chr17:8090492-8090577	0	1
XLOC_008847	XLOC_008847	ARHGEF15	chr17:8213555-8225834	0	1
XLOC_008848	XLOC_008848	ODF4	chr17:8243187-8249363	0	1
XLOC_008853	XLOC_008853	GLP2R	chr17:9729380-9793022	0	1
XLOC_008855	XLOC_008855	TMEM220-AS1	chr17:10616638-10718481	0	1
XLOC_008856	XLOC_008856	SHISA6	chr17:11144739-11467380	0	1
XLOC_008859	XLOC_008859	MIR744	chr17:11924134-12047051	0	1
XLOC_008860	XLOC_008860	LINC00670	chr17:12453284-12540504	0	1
XLOC_008861	XLOC_008861	MYOCD	chr17:12569206-12670651	0	1
XLOC_008867	XLOC_008867	CDRT7	chr17:14934291-14935274	0	1
XLOC_008870	XLOC_008870	CDRT15P2	chr17:15668016-15669003	0	1
XLOC_008875	XLOC_008875	MIR1288	chr17:16120508-16229573	0	1
XLOC_008879	XLOC_008879	SNORD49A	chr17:16342300-16395505	0	1
XLOC_008886	XLOC_008886	SMCR9	chr17:17322657-17326728	0	1
XLOC_008897	XLOC_008897	EVPLL	chr17:18281078-18292960	0	1
XLOC_008898	XLOC_008898	LOC339240	chr17:18325494-18328647	0	1
XLOC_008900	XLOC_008900	LGALS9C	chr17:18380098-18398259	0	1
XLOC_008911	XLOC_008911	SLC47A1	chr17:19437166-19482346	0	1
XLOC_008912	XLOC_008912	SNORA59B	chr17:19437166-19482346	0	1
XLOC_008916	XLOC_008916	CDRT15L2	chr17:20483036-20484224	0	1
XLOC_008921	XLOC_008921	FAM27L	chr17:21825369-21826499	0	1
XLOC_008922	XLOC_008922	FLJ36000	chr17:21904061-21913070	0	1
XLOC_008925	XLOC_008925	TBC1D3P5	chr17:25745030-25758649	0	1
XLOC_008930	XLOC_008930	PPY2	chr17:26574469-26575315	0	1
XLOC_008934	XLOC_008934	MIR4723	chr17:26684686-26689089	0	1
XLOC_008936	XLOC_008936	SLC13A2	chr17:26800663-26824798	0	1
XLOC_008937	XLOC_008937	FOXN1	chr17:26850958-26865175	0	1
XLOC_008941	XLOC_008941	SNORD42B	chr17:27046999-27053949	0	1
XLOC_008942	XLOC_008942	SNORD4A	chr17:27046999-27053949	0	1
XLOC_008943	XLOC_008943	SNORD42A	chr17:27046999-27053949	0	1
XLOC_008948	XLOC_008948	MIR451B	chr17:27188386-27188458	0	1
XLOC_008957	XLOC_008957	MIR423	chr17:28443824-28513493	0	1
XLOC_008960	XLOC_008960	TBC1D29	chr17:28886583-28890509	0	1
XLOC_008970	XLOC_008970	MIR193A	chr17:29887014-29887102	0	1
XLOC_008971	XLOC_008971	MIR4725	chr17:29902287-29902377	0	1
XLOC_008972	XLOC_008972	MIR365B	chr17:29902429-29902540	0	1
XLOC_008983	XLOC_008983	CCL2	chr17:32582295-32584220	0	1
XLOC_008984	XLOC_008984	CCL7	chr17:32597234-32599261	0	1
XLOC_008985	XLOC_008985	CCL11	chr17:32612686-32615199	0	1
XLOC_008986	XLOC_008986	CCL8	chr17:32646065-32648421	0	1
XLOC_008987	XLOC_008987	CCL13	chr17:32683470-32685629	0	1
XLOC_008988	XLOC_008988	TMEM132E	chr17:32907767-32966337	0	1
XLOC_008994	XLOC_008994	SNORD7	chr17:33900675-33900772	0	1
XLOC_008999	XLOC_008999	CCL18	chr17:34391642-34398841	0	1
XLOC_009000	XLOC_009000	CCL4	chr17:34431219-34433014	0	1
XLOC_009001	XLOC_009001	CCL4L1	chr17:34538467-34540274	0	1
XLOC_009002	XLOC_009002	CCL4L2	chr17:34640033-34641840	0	1
XLOC_009010	XLOC_009010	MIR2909	chr17:35306174-35414171	0	1
XLOC_009019	XLOC_009019	MIR4726	chr17:36861872-36886056	0	1
XLOC_009022	XLOC_009022	MIR4727	chr17:36982090-36982145	0	1
XLOC_009029	XLOC_009029	PPP1R1B	chr17:37783176-37792878	0	1
XLOC_009032	XLOC_009032	PNMT	chr17:37824233-37826728	0	1
XLOC_009034	XLOC_009034	MIR4728	chr17:37844392-37884915	0	1
XLOC_009036	XLOC_009036	ZBPBP2	chr17:38024454-38034149	0	1
XLOC_009037	XLOC_009037	LRRC3C	chr17:38097726-38100987	0	1
XLOC_009041	XLOC_009041	SNORD124	chr17:38175349-38210889	0	1
XLOC_009053	XLOC_009053	KRTAP9-1	chr17:39346138-39346891	0	1
XLOC_009054	XLOC_009054	KRTAP9-2	chr17:39382899-39383904	0	1
XLOC_009055	XLOC_009055	KRTAP9-3	chr17:39388714-39389706	0	1
XLOC_009056	XLOC_009056	KRTAP9-8	chr17:39394269-39395256	0	1
XLOC_009057	XLOC_009057	KRTAP9-4	chr17:39405938-39406905	0	1
XLOC_009058	XLOC_009058	KRTAP9-9	chr17:39411635-39412616	0	1
XLOC_009059	XLOC_009059	LOC100505782	chr17:39558667-39568840	0	1
XLOC_009061	XLOC_009061	GAST	chr17:39868577-39872221	0	1
XLOC_009077	XLOC_009077	RAMP2	chr17:40905946-40915060	0	1
XLOC_009094	XLOC_009094	MIR2117	chr17:41522173-41522253	0	1
XLOC_009096	XLOC_009096	C17orf105	chr17:41857802-41862054	0	1
XLOC_009120	XLOC_009120	SPPL2C	chr17:43920721-44105699	0	1
XLOC_009122	XLOC_009122	MAPT-IT1	chr17:43920721-44105699	0	1
XLOC_009123	XLOC_009123	STH	chr17:43920721-44105699	0	1

XLOC_009126	XLOC_009126	NSFP1	chr17:44450178-44500463	0	1
XLOC_009129	XLOC_009129	WNT9B	chr17:44928967-44954437	0	1
XLOC_009131	XLOC_009131	MIR5089	chr17:45050382-45050466	0	1
XLOC_009133	XLOC_009133	ITGB3	chr17:45331207-45390077	0	1
XLOC_009138	XLOC_009138	TBX21	chr17:45810609-45823485	0	1
XLOC_009151	XLOC_009151	B4GALNT2	chr17:47209821-47247351	0	1
XLOC_009153	XLOC_009153	FLJ40194	chr17:47325604-47336027	0	1
XLOC_009161	XLOC_009161	SGCA	chr17:48243365-48253293	0	1
XLOC_009171	XLOC_009171	ABCC3	chr17:48712217-48769063	0	1
XLOC_009173	XLOC_009173	WFIKKN2	chr17:48912604-48919709	0	1
XLOC_009177	XLOC_009177	C17orf112	chr17:51062879-51065012	0	1
XLOC_009178	XLOC_009178	KIF2B	chr17:51900238-51902573	0	1
XLOC_009184	XLOC_009184	NOG	chr17:54671059-54672951	0	1
XLOC_009187	XLOC_009187	RNF126P1	chr17:55122838-55124156	0	1
XLOC_009191	XLOC_009191	OR4D1	chr17:56232514-56233447	0	1
XLOC_009192	XLOC_009192	MSX2P1	chr17:56234319-56236480	0	1
XLOC_009193	XLOC_009193	OR4D2	chr17:56247016-56247940	0	1
XLOC_009195	XLOC_009195	LPO	chr17:56315786-56345879	0	1
XLOC_009203	XLOC_009203	MIR4729	chr17:57409052-57479095	0	1
XLOC_009207	XLOC_009207	MIR21	chr17:57918626-57918698	0	1
XLOC_009209	XLOC_009209	CA4	chr17:58227301-58236906	0	1
XLOC_009215	XLOC_009215	TBX4	chr17:59533806-59561664	0	1
XLOC_009220	XLOC_009220	MIR548W	chr17:60778674-61505067	0	1
XLOC_009238	XLOC_009238	MIR634	chr17:64298925-64806862	0	1
XLOC_009239	XLOC_009239	CACNG5	chr17:64873390-64881395	0	1
XLOC_009252	XLOC_009252	MIR4524B	chr17:67074846-67138015	0	1
XLOC_009253	XLOC_009253	MAP2K6	chr17:67410837-67538470	0	1
XLOC_009254	XLOC_009254	KCNJ16	chr17:68071365-68131746	0	1
XLOC_009255	XLOC_009255	KCNJ2	chr17:68165675-68176183	0	1
XLOC_009260	XLOC_009260	LOC400620	chr17:71745408-71824676	0	1
XLOC_009263	XLOC_009263	DNAI2	chr17:72270385-72311023	0	1
XLOC_009264	XLOC_009264	KIF19	chr17:72322350-72351959	0	1
XLOC_009265	XLOC_009265	GPR142	chr17:72363644-72368739	0	1
XLOC_009268	XLOC_009268	C17orf77	chr17:72576110-72590348	0	1
XLOC_009273	XLOC_009273	OTOP3	chr17:72931896-72946087	0	1
XLOC_009282	XLOC_009282	MIR3678	chr17:73402149-73402243	0	1
XLOC_009295	XLOC_009295	RNF157-AS1	chr17:74132414-74236390	0	1
XLOC_009301	XLOC_009301	SNORD1C	chr17:74553845-74561430	0	1
XLOC_009302	XLOC_009302	SNORD1B	chr17:74553845-74561430	0	1
XLOC_009303	XLOC_009303	SNORD1A	chr17:74553845-74561430	0	1
XLOC_009310	XLOC_009310	LOC100507351	chr17:75543022-75561103	0	1
XLOC_009313	XLOC_009313	C17orf99	chr17:76142433-76162364	0	1
XLOC_009317	XLOC_009317	TMEM235	chr17:76227390-76237068	0	1
XLOC_009321	XLOC_009321	ENPP7	chr17:77704881-77716021	0	1
XLOC_009329	XLOC_009329	MIR4730	chr17:78234659-78411884	0	1
XLOC_009333	XLOC_009333	MIR3065	chr17:79008946-79156964	0	1
XLOC_009334	XLOC_009334	AATK-AS1	chr17:79008946-79156964	0	1
XLOC_009343	XLOC_009343	GCGR	chr17:79762009-79771889	0	1
XLOC_009353	XLOC_009353	UTS2R	chr17:80332200-80333370	0	1
XLOC_009370	XLOC_009370	MIR3183	chr17:906757-1090616	0	1
XLOC_009383	XLOC_009383	RTN4RL1	chr17:1837970-1928178	0	1
XLOC_009384	XLOC_009384	MIR132	chr17:1953201-1953302	0	1
XLOC_009385	XLOC_009385	MIR212	chr17:1953564-1953674	0	1
XLOC_009388	XLOC_009388	SNORD91B	chr17:2207247-2240678	0	1
XLOC_009389	XLOC_009389	SNORD91A	chr17:2207247-2240678	0	1
XLOC_009394	XLOC_009394	MIR1253	chr17:2651371-2651476	0	1
XLOC_009395	XLOC_009395	OR1D5	chr17:2965962-2966901	0	1
XLOC_009396	XLOC_009396	OR1D2	chr17:2995351-2996290	0	1
XLOC_009397	XLOC_009397	OR1G1	chr17:3029903-3030845	0	1
XLOC_009398	XLOC_009398	OR3A2	chr17:3181183-3182268	0	1
XLOC_009399	XLOC_009399	OR3A1	chr17:3194928-3195876	0	1
XLOC_009400	XLOC_009400	OR1E1	chr17:3300759-3301704	0	1
XLOC_009401	XLOC_009401	OR1E2	chr17:3336163-3337135	0	1
XLOC_009402	XLOC_009402	SPATA22	chr17:3343305-3375142	0	1
XLOC_009403	XLOC_009403	TRPV3	chr17:3413795-3461289	0	1
XLOC_009416	XLOC_009416	ALOX15	chr17:4534213-4544960	0	1
XLOC_009428	XLOC_009428	ZNF594	chr17:5082830-5095178	0	1
XLOC_009429	XLOC_009429	SCIMP	chr17:5095378-5138931	0	1
XLOC_009440	XLOC_009440	MIR4520A	chr17:6558758-6558828	0	1
XLOC_009445	XLOC_009445	MIR195	chr17:6915735-6922973	0	1
XLOC_009446	XLOC_009446	MIR497	chr17:6915735-6922973	0	1
XLOC_009448	XLOC_009448	CLEC10A	chr17:6977855-6983600	0	1
XLOC_009449	XLOC_009449	ASGR2	chr17:7004640-7018130	0	1
XLOC_009452	XLOC_009452	MIR324	chr17:7093209-7128586	0	1
XLOC_009488	XLOC_009488	SPDYE4	chr17:8656423-8661877	0	1
XLOC_009489	XLOC_009489	MFS6L	chr17:8700427-8702667	0	1
XLOC_009490	XLOC_009490	PIK3R6	chr17:8706054-8770994	0	1
XLOC_009493	XLOC_009493	DHRSTC	chr17:9674750-9694614	0	1
XLOC_009494	XLOC_009494	RCVRN	chr17:9801026-9808684	0	1

XLOC_009496	XLOC_009496	MYH13	chr17:10204182-10276322	0	1
XLOC_009497	XLOC_009497	MYH8	chr17:10293641-10325267	0	1
XLOC_009498	XLOC_009498	MYH4	chr17:10346607-10372876	0	1
XLOC_009500	XLOC_009500	MYH2	chr17:10424464-10453017	0	1
XLOC_009505	XLOC_009505	LINC00675	chr17:10616638-10718481	0	1
XLOC_009506	XLOC_009506	PIRT	chr17:10725791-10741418	0	1
XLOC_009509	XLOC_009509	HS3ST3A1	chr17:13399005-13505244	0	1
XLOC_009513	XLOC_009513	MIR4731	chr17:15133095-15168644	0	1
XLOC_009524	XLOC_009524	KRT16P2	chr17:16733796-16736147	0	1
XLOC_009525	XLOC_009525	TNFRSF13B	chr17:16842397-16875402	0	1
XLOC_009533	XLOC_009533	MIR33B	chr17:17584786-17740325	0	1
XLOC_009548	XLOC_009548	MIR1180	chr17:19240866-19290532	0	1
XLOC_009551	XLOC_009551	ALDH3A1	chr17:19641297-19651746	0	1
XLOC_009554	XLOC_009554	LGALS9B	chr17:20353175-20370848	0	1
XLOC_009556	XLOC_009556	CCDC144NL	chr17:20766707-20799453	0	1
XLOC_009561	XLOC_009561	MIR4522	chr17:25620935-25621022	0	1
XLOC_009567	XLOC_009567	SEBOX	chr17:26691289-26692265	0	1
XLOC_009581	XLOC_009581	MIR451A	chr17:27188386-27188458	0	1
XLOC_009582	XLOC_009582	MIR144	chr17:27188550-27188636	0	1
XLOC_009583	XLOC_009583	MIR4732	chr17:27188672-27188748	0	1
XLOC_009594	XLOC_009594	MIR3184	chr17:28443824-28513493	0	1
XLOC_009597	XLOC_009597	TMIGD1	chr17:28643365-28661065	0	1
XLOC_009600	XLOC_009600	MIR4733	chr17:29421367-29421443	0	1
XLOC_009609	XLOC_009609	ASIC2	chr17:31340105-32483825	0	1
XLOC_009610	XLOC_009610	AA06	chr17:31340105-32483825	0	1
XLOC_009611	XLOC_009611	CCL1	chr17:32687398-32690252	0	1
XLOC_009612	XLOC_009612	C17orf102	chr17:32901141-32906388	0	1
XLOC_009617	XLOC_009617	SLFN11	chr17:33677328-33700720	0	1
XLOC_009618	XLOC_009618	SLFN12	chr17:33738080-33759543	0	1
XLOC_009620	XLOC_009620	SLFN12L	chr17:33801941-33814758	0	1
XLOC_009624	XLOC_009624	MMP28	chr17:34092875-34122640	0	1
XLOC_009628	XLOC_009628	LYZL6	chr17:34261522-34270703	0	1
XLOC_009629	XLOC_009629	CCL16	chr17:34303534-34308523	0	1
XLOC_009630	XLOC_009630	CCL14,CCL15	chr17:34310691-34329084	0	1
XLOC_009631	XLOC_009631	CCL23	chr17:34340096-34345005	0	1
XLOC_009636	XLOC_009636	CCL3L1	chr17:34623841-34625730	0	1
XLOC_009645	XLOC_009645	TBC1D3	chr17:36337527-36348666	0	1
XLOC_009650	XLOC_009650	MIR4734	chr17:36858514-36858584	0	1
XLOC_009657	XLOC_009657	FBXO47	chr17:37092684-37123655	0	1
XLOC_009659	XLOC_009659	ARL5C	chr17:37313146-37322414	0	1
XLOC_009675	XLOC_009675	CCR7	chr17:38710021-38721736	0	1
XLOC_009678	XLOC_009678	KRT24	chr17:38854242-38860002	0	1
XLOC_009679	XLOC_009679	KRT25	chr17:38904272-38911584	0	1
XLOC_009680	XLOC_009680	KRT26	chr17:38922489-38928411	0	1
XLOC_009681	XLOC_009681	KRT27	chr17:38933059-38938786	0	1
XLOC_009682	XLOC_009682	KRT28	chr17:38948447-38956211	0	1
XLOC_009686	XLOC_009686	KRT23	chr17:39078951-39093836	0	1
XLOC_009687	XLOC_009687	KRT39	chr17:39114668-39123144	0	1
XLOC_009688	XLOC_009688	KRT40	chr17:39133967-39143387	0	1
XLOC_009691	XLOC_009691	KRTAP3-1	chr17:39164773-39165366	0	1
XLOC_009692	XLOC_009692	KRTAP1-5	chr17:39182278-39183454	0	1
XLOC_009693	XLOC_009693	KRTAP1-4	chr17:39185928-39186377	0	1
XLOC_009694	XLOC_009694	KRTAP1-3	chr17:39190136-39191107	0	1
XLOC_009702	XLOC_009702	KRTAP4-12	chr17:39279344-39280419	0	1
XLOC_009705	XLOC_009705	KRTAP4-4	chr17:39315905-39316983	0	1
XLOC_009706	XLOC_009706	KRTAP4-3	chr17:39323482-39324424	0	1
XLOC_009707	XLOC_009707	KRTAP4-2	chr17:39333697-39334460	0	1
XLOC_009708	XLOC_009708	KRTAP4-1	chr17:39340351-39341147	0	1
XLOC_009709	XLOC_009709	KRTAP29-1	chr17:39458077-39459103	0	1
XLOC_009710	XLOC_009710	KRTAP16-1	chr17:39463951-39465505	0	1
XLOC_009711	XLOC_009711	KRTAP17-1	chr17:39471168-39471947	0	1
XLOC_009712	XLOC_009712	KRT33A	chr17:39502344-39507064	0	1
XLOC_009713	XLOC_009713	KRT33B	chr17:39519745-39526052	0	1
XLOC_009715	XLOC_009715	KRT31	chr17:39549976-39553844	0	1
XLOC_009716	XLOC_009716	KRT37	chr17:39576808-39580822	0	1
XLOC_009717	XLOC_009717	KRT38	chr17:39592620-39597596	0	1
XLOC_009718	XLOC_009718	KRT32	chr17:39615764-39623638	0	1
XLOC_009719	XLOC_009719	KRT35	chr17:39632940-39637392	0	1
XLOC_009720	XLOC_009720	KRT36	chr17:39642387-39646116	0	1
XLOC_009721	XLOC_009721	KRT13	chr17:39657232-39661865	0	1
XLOC_009724	XLOC_009724	LOC147093	chr17:39705857-39710747	0	1
XLOC_009725	XLOC_009725	KRT9	chr17:39722093-39728310	0	1
XLOC_009726	XLOC_009726	KRT14	chr17:39738530-39743147	0	1
XLOC_009730	XLOC_009730	HAP1	chr17:39878890-39880898	0	1
XLOC_009741	XLOC_009741	KCNH4	chr17:40308909-40333296	0	1
XLOC_009763	XLOC_009763	SOST	chr17:41831098-41836156	0	1
XLOC_009785	XLOC_009785	C1QL1	chr17:43037060-43045644	0	1
XLOC_009794	XLOC_009794	LOC644172	chr17:43677490-43679748	0	1
XLOC_009795	XLOC_009795	MAPT-AS1	chr17:43920721-44105699	0	1

XLOC_009809	XLOC_009809	MIR152	chr17:46103532-46115152	0	1
XLOC_009811	XLOC_009811	SKAP1	chr17:46210801-46507594	0	1
XLOC_009812	XLOC_009812	MIR1203	chr17:46210801-46507594	0	1
XLOC_009813	XLOC_009813	HOXB1	chr17:46606806-46608272	0	1
XLOC_009817	XLOC_009817	MIR10A	chr17:46657199-46657309	0	1
XLOC_009823	XLOC_009823	MIR196A1	chr17:46709851-46709921	0	1
XLOC_009824	XLOC_009824	PRAC	chr17:46799081-46799882	0	1
XLOC_009825	XLOC_009825	MIR3185	chr17:46800541-46802119	0	1
XLOC_009829	XLOC_009829	GIP	chr17:47035917-47045955	0	1
XLOC_009830	XLOC_009830	GNGT2	chr17:47283595-47300587	0	1
XLOC_009842	XLOC_009842	HILS1	chr17:48243365-48253293	0	1
XLOC_009849	XLOC_009849	LINC00483	chr17:48838394-48844876	0	1
XLOC_009853	XLOC_009853	CA10	chr17:49707673-50237377	0	1
XLOC_009856	XLOC_009856	TMEM100	chr17:53796987-53809482	0	1
XLOC_009858	XLOC_009858	MTVR2	chr17:54961462-54962274	0	1
XLOC_009866	XLOC_009866	MPO	chr17:56347216-56358296	0	1
XLOC_009867	XLOC_009867	BZRAP1	chr17:56378587-56494931	0	1
XLOC_009868	XLOC_009868	MIR142	chr17:56378587-56494931	0	1
XLOC_009869	XLOC_009869	MIR4736	chr17:56378587-56494931	0	1
XLOC_009879	XLOC_009879	MIR454	chr17:57187307-57232800	0	1
XLOC_009880	XLOC_009880	MIR301A	chr17:57187307-57232800	0	1
XLOC_009885	XLOC_009885	MIR4737	chr17:58120385-58120466	0	1
XLOC_009897	XLOC_009897	MARCH10	chr17:60778674-61505067	0	1
XLOC_009904	XLOC_009904	CSH2	chr17:61949371-61951089	0	1
XLOC_009905	XLOC_009905	GH2	chr17:61957571-61959302	0	1
XLOC_009906	XLOC_009906	CSH1	chr17:61972267-61974021	0	1
XLOC_009907	XLOC_009907	CSHL1	chr17:61986964-61988618	0	1
XLOC_009908	XLOC_009908	GH1	chr17:61994562-61996198	0	1
XLOC_009914	XLOC_009914	PEGAM1	chr17:62396776-62407083	0	1
XLOC_009927	XLOC_009927	APOH	chr17:64208146-64225556	0	1
XLOC_009933	XLOC_009933	MIR635	chr17:66417421-66453653	0	1
XLOC_009935	XLOC_009935	ABCA8	chr17:66863430-66951533	0	1
XLOC_009937	XLOC_009937	ABCA6	chr17:67074846-67138015	0	1
XLOC_009938	XLOC_009938	MIR4524A	chr17:67074846-67138015	0	1
XLOC_009940	XLOC_009940	KCNJ2-AS1	chr17:68163101-68165543	0	1
XLOC_009948	XLOC_009948	LINC00469	chr17:71745408-71824676	0	1
XLOC_009951	XLOC_009951	CD300LB	chr17:72517312-72527613	0	1
XLOC_009953	XLOC_009953	CD300LD	chr17:72576110-72590348	0	1
XLOC_009955	XLOC_009955	CD300LF	chr17:72667255-72743474	0	1
XLOC_009959	XLOC_009959	FADS6	chr17:72873472-72889705	0	1
XLOC_009974	XLOC_009974	MIR4738	chr17:73780601-73780688	0	1
XLOC_009993	XLOC_009993	ST6GALNAC1	chr17:74620844-74639894	0	1
XLOC_009997	XLOC_009997	MIR4316	chr17:75277491-75496678	0	1
XLOC_010011	XLOC_010011	LOC100507410	chr17:77015290-77045870	0	1
XLOC_010013	XLOC_010013	MIR4739	chr17:77680984-77681058	0	1
XLOC_010023	XLOC_010023	MIR657	chr17:79008946-79156964	0	1
XLOC_010024	XLOC_010024	MIR338	chr17:79008946-79156964	0	1
XLOC_010025	XLOC_010025	MIR1250	chr17:79008946-79156964	0	1
XLOC_010030	XLOC_010030	TMEM105	chr17:79285071-79304474	0	1
XLOC_010032	XLOC_010032	MIR4740	chr17:79373539-79433358	0	1
XLOC_010033	XLOC_010033	MIR3186	chr17:79373539-79433358	0	1
XLOC_010090	XLOC_010090	CETN1	chr18:580368-581524	0	1
XLOC_010093	XLOC_010093	ADCYAP1	chr18:904943-912173	0	1
XLOC_010101	XLOC_010101	DLGAP1-AS3	chr18:3496029-4455266	0	1
XLOC_010102	XLOC_010102	DLGAP1-AS5	chr18:3496029-4455266	0	1
XLOC_010104	XLOC_010104	LOC645355	chr18:5748817-5795900	0	1
XLOC_010105	XLOC_010105	MIR3976	chr18:5840693-5840832	0	1
XLOC_010106	XLOC_010106	LOC100130480	chr18:6511414-6590652	0	1
XLOC_010107	XLOC_010107	ARHGAP28	chr18:6834431-6915712	0	1
XLOC_010108	XLOC_010108	LRRC30	chr18:7231136-7232042	0	1
XLOC_010116	XLOC_010116	RAB31	chr18:9708227-9862553	0	1
XLOC_010117	XLOC_010117	TXNDC2	chr18:9885722-9888156	0	1
XLOC_010119	XLOC_010119	APCDD1	chr18:10454624-10488698	0	1
XLOC_010124	XLOC_010124	C18orf61	chr18:12200777-12224709	0	1
XLOC_010125	XLOC_010125	CIDEA	chr18:12254317-12277594	0	1
XLOC_010132	XLOC_010132	MIR5190	chr18:13218728-13652753	0	1
XLOC_010133	XLOC_010133	MIR4526	chr18:13218728-13652753	0	1
XLOC_010135	XLOC_010135	MC5R	chr18:13825542-13826861	0	1
XLOC_010138	XLOC_010138	ANKRD30B	chr18:14748238-14852737	0	1
XLOC_010139	XLOC_010139	MIR3156-2	chr18:14748238-14852737	0	1
XLOC_010142	XLOC_010142	MIR320C1	chr18:19230857-19284766	0	1
XLOC_010149	XLOC_010149	LAMA3	chr18:21269561-21535029	0	1
XLOC_010152	XLOC_010152	MIR320C2	chr18:21742010-21977833	0	1
XLOC_010155	XLOC_010155	LOC729950	chr18:22208145-22242162	0	1
XLOC_010156	XLOC_010156	PSMA8	chr18:23713815-23773319	0	1
XLOC_010159	XLOC_010159	MIR302F	chr18:27878875-27878926	0	1
XLOC_010160	XLOC_010160	DSG1	chr18:28898051-28937393	0	1
XLOC_010161	XLOC_010161	DSG4	chr18:28956739-28993880	0	1
XLOC_010164	XLOC_010164	TTR	chr18:29171729-29178986	0	1

XLOC_010169	XLOC_010169	ASXL3	chr18:31158540-31327399	0	1
XLOC_010170	XLOC_010170	DTNA	chr18:32073253-32471808	0	1
XLOC_010174	XLOC_010174	MIR3975	chr18:33171700-33171770	0	1
XLOC_010181	XLOC_010181	MIR4318	chr18:35237097-35237178	0	1
XLOC_010182	XLOC_010182	MIR5583-1	chr18:36786887-37331959	0	1
XLOC_010194	XLOC_010194	MIR4743	chr18:46065426-46389586	0	1
XLOC_010195	XLOC_010195	MIR1539	chr18:47007547-47018935	0	1
XLOC_010199	XLOC_010199	MAPK4	chr18:48086483-48258196	0	1
XLOC_010203	XLOC_010203	LOC100287225	chr18:48918411-49088839	0	1
XLOC_010204	XLOC_010204	DCC	chr18:49866541-51062273	0	1
XLOC_010207	XLOC_010207	DYNAP	chr18:52258389-52266724	0	1
XLOC_010209	XLOC_010209	MIR4529	chr18:52889561-53303188	0	1
XLOC_010211	XLOC_010211	BOD1L2	chr18:54814292-54817639	0	1
XLOC_010216	XLOC_010216	MIR122	chr18:56118305-56118390	0	1
XLOC_010219	XLOC_010219	OACYLP	chr18:56702970-56720446	0	1
XLOC_010221	XLOC_010221	GRP	chr18:56887399-56898002	0	1
XLOC_010229	XLOC_010229	SERPINB12	chr18:61223392-61234244	0	1
XLOC_010230	XLOC_010230	SERPINB13	chr18:61254533-61266433	0	1
XLOC_010231	XLOC_010231	SERPINB11	chr18:61370193-61391122	0	1
XLOC_010234	XLOC_010234	SERPINB10	chr18:61582744-61602476	0	1
XLOC_010237	XLOC_010237	LOC284294	chr18:61747242-62090827	0	1
XLOC_010238	XLOC_010238	CDH7	chr18:63417487-63548175	0	1
XLOC_010239	XLOC_010239	MIR5011	chr18:64748820-64748923	0	1
XLOC_010240	XLOC_010240	LOC643542	chr18:65173818-65566856	0	1
XLOC_010242	XLOC_010242	DOK6	chr18:67068283-67516322	0	1
XLOC_010246	XLOC_010246	C18orf63	chr18:71983109-72026422	0	1
XLOC_010251	XLOC_010251	LOC339298	chr18:73834952-73857210	0	1
XLOC_010255	XLOC_010255	GALR1	chr18:74962007-74982096	0	1
XLOC_010256	XLOC_010256	SALL3	chr18:76740274-76758969	0	1
XLOC_010260	XLOC_010260	KCNQ2	chr18:77623667-77659816	0	1
XLOC_010266	XLOC_010266	COLEC12	chr18:319354-500729	0	1
XLOC_010277	XLOC_010277	C18orf42	chr18:5143671-5197255	0	1
XLOC_010280	XLOC_010280	EPB41L3	chr18:5392387-5543986	0	1
XLOC_010281	XLOC_010281	TMEM200C	chr18:5890183-5892103	0	1
XLOC_010282	XLOC_010282	L3MBTL4	chr18:5954704-6414910	0	1
XLOC_010283	XLOC_010283	MIR4317	chr18:5954704-6414910	0	1
XLOC_010284	XLOC_010284	LINC00668	chr18:6925472-6929868	0	1
XLOC_010286	XLOC_010286	LOC100192426	chr18:7567313-8406859	0	1
XLOC_010288	XLOC_010288	PIEZO2	chr18:10670243-11148761	0	1
XLOC_010294	XLOC_010294	LOC100288122	chr18:13218728-13652753	0	1
XLOC_010298	XLOC_010298	CXADRP3	chr18:14477953-14498705	0	1
XLOC_010299	XLOC_010299	POTEC	chr18:14511736-14543599	0	1
XLOC_010300	XLOC_010300	LOC644669	chr18:15313554-15325918	0	1
XLOC_010304	XLOC_010304	MIR133A1	chr18:19321544-19450912	0	1
XLOC_010305	XLOC_010305	MIR1-2	chr18:19321544-19450912	0	1
XLOC_010306	XLOC_010306	CTAGE1	chr18:19993563-19997878	0	1
XLOC_010309	XLOC_010309	ANKRD29	chr18:21179977-21242849	0	1
XLOC_010314	XLOC_010314	LOC728606	chr18:24267584-24283602	0	1
XLOC_010315	XLOC_010315	AQP4	chr18:24432007-24765302	0	1
XLOC_010316	XLOC_010316	CHST9	chr18:24432007-24765302	0	1
XLOC_010319	XLOC_010319	DSC2	chr18:28645941-28682388	0	1
XLOC_010320	XLOC_010320	DSC1	chr18:28709213-28742819	0	1
XLOC_010327	XLOC_010327	CCDC178	chr18:30517365-31020685	0	1
XLOC_010328	XLOC_010328	NOL4	chr18:31431063-31803515	0	1
XLOC_010331	XLOC_010331	ZNF396	chr18:32946660-32957301	0	1
XLOC_010333	XLOC_010333	MIR187	chr18:33484780-33484889	0	1
XLOC_010339	XLOC_010339	MIR5583-2	chr18:36786887-37331959	0	1
XLOC_010340	XLOC_010340	KC6	chr18:39060235-39100561	0	1
XLOC_010341	XLOC_010341	RIT2	chr18:40323182-40695657	0	1
XLOC_010342	XLOC_010342	SYT4	chr18:40847856-40857615	0	1
XLOC_010343	XLOC_010343	MIR4319	chr18:42260137-42648475	0	1
XLOC_010347	XLOC_010347	LOXHD1	chr18:44056934-44236996	0	1
XLOC_010350	XLOC_010350	TCEB3CL2	chr18:44526786-44628614	0	1
XLOC_010351	XLOC_010351	TCEB3CL2	chr18:44526786-44628614	0	1
XLOC_010352	XLOC_010352	TCEB3C	chr18:44526786-44628614	0	1
XLOC_010353	XLOC_010353	TCEB3B	chr18:44526786-44628614	0	1
XLOC_010357	XLOC_010357	ZBTB7C	chr18:45553638-45663680	0	1
XLOC_010360	XLOC_010360	MIR4744	chr18:46570171-46987079	0	1
XLOC_010366	XLOC_010366	MIR4320	chr18:47349155-47721451	0	1
XLOC_010374	XLOC_010374	STARDB6	chr18:51851061-51880943	0	1
XLOC_010375	XLOC_010375	CCDC68	chr18:52568739-52626739	0	1
XLOC_010376	XLOC_010376	TCF4	chr18:52889561-53303188	0	1
XLOC_010377	XLOC_010377	LOC100505474	chr18:53750586-53804767	0	1
XLOC_010383	XLOC_010383	MIR3591	chr18:56118305-56118390	0	1
XLOC_010385	XLOC_010385	RAX	chr18:56934266-56940625	0	1
XLOC_010386	XLOC_010386	CPLX4	chr18:56962635-56985881	0	1
XLOC_010389	XLOC_010389	MC4R	chr18:58038563-58040001	0	1
XLOC_010395	XLOC_010395	SERPINB4	chr18:61304492-61311502	0	1
XLOC_010396	XLOC_010396	SERPINB3	chr18:61322430-61329197	0	1

XLOC_010397	XLOC_010397	LINC00305	chr18:61747242-62090827	0	1
XLOC_010398	XLOC_010398	LOC400654	chr18:61747242-62090827	0	1
XLOC_010399	XLOC_010399	CDH19	chr18:64168423-64271375	0	1
XLOC_010404	XLOC_010404	LOC100505776	chr18:69187199-69246192	0	1
XLOC_010405	XLOC_010405	CBLN2	chr18:70203914-70211723	0	1
XLOC_010406	XLOC_010406	NETO1	chr18:70409548-70534810	0	1
XLOC_010407	XLOC_010407	LOC400655	chr18:70821292-70931733	0	1
XLOC_010410	XLOC_010410	FAM69C	chr18:72102962-72124503	0	1
XLOC_010413	XLOC_010413	C18orf62	chr18:73121826-73139589	0	1
XLOC_010420	XLOC_010420	OR4F17	chr19:110678-111596	0	1
XLOC_010427	XLOC_010427	FGF22	chr19:639925-643604	0	1
XLOC_010429	XLOC_010429	PALM	chr19:708952-748330	0	1
XLOC_010432	XLOC_010432	MIR4745	chr19:797391-812327	0	1
XLOC_010433	XLOC_010433	MIR3187	chr19:812487-821952	0	1
XLOC_010438	XLOC_010438	KISS1R	chr19:917341-921015	0	1
XLOC_010459	XLOC_010459	ONECUT3	chr19:1753661-1775444	0	1
XLOC_010486	XLOC_010486	GIPC3	chr19:3585568-3593539	0	1
XLOC_010491	XLOC_010491	NMRK2	chr19:3933100-3942414	0	1
XLOC_010501	XLOC_010501	MIR4746	chr19:4445002-4457791	0	1
XLOC_010506	XLOC_010506	MIR7-3	chr19:4769116-4772568	0	1
XLOC_010509	XLOC_010509	MIR4747	chr19:4909509-4962165	0	1
XLOC_010511	XLOC_010511	ZNRF4	chr19:5455425-5456867	0	1
XLOC_010515	XLOC_010515	CATSPERD	chr19:5720687-5778742	0	1
XLOC_010528	XLOC_010528	MBD3L5	chr19:7030593-7033022	0	1
XLOC_010529	XLOC_010529	MBD3L2	chr19:7049350-7051746	0	1
XLOC_010539	XLOC_010539	RETN	chr19:7733971-7735340	0	1
XLOC_010549	XLOC_010549	CCL25	chr19:8117645-8127547	0	1
XLOC_010550	XLOC_010550	CERS4	chr19:8274216-8327304	0	1
XLOC_010556	XLOC_010556	OR2Z1	chr19:8841390-8842335	0	1
XLOC_010557	XLOC_010557	MBD3L1	chr19:8953268-8954016	0	1
XLOC_010558	XLOC_010558	OR1M1	chr19:9203920-9204862	0	1
XLOC_010561	XLOC_010561	OR7E24	chr19:9361719-9362739	0	1
XLOC_010566	XLOC_010566	RDH8	chr19:10123924-10132954	0	1
XLOC_010567	XLOC_010567	C3P1	chr19:10152031-10184813	0	1
XLOC_010570	XLOC_010570	SNORD105	chr19:10216898-10230599	0	1
XLOC_010571	XLOC_010571	SNORD105B	chr19:10216898-10230599	0	1
XLOC_010572	XLOC_010572	MIR4322	chr19:10332108-10341948	0	1
XLOC_010579	XLOC_010579	MIR1238	chr19:10654646-10676702	0	1
XLOC_010584	XLOC_010584	MIR638	chr19:10828728-10942586	0	1
XLOC_010585	XLOC_010585	MIR4748	chr19:10828728-10942586	0	1
XLOC_010592	XLOC_010592	TSPAN16	chr19:11406823-11450344	0	1
XLOC_010613	XLOC_010613	BEST2	chr19:12863406-12869271	0	1
XLOC_010628	XLOC_010628	MIR181C	chr19:13985512-13985622	0	1
XLOC_010642	XLOC_010642	OR7C2	chr19:15052300-15053260	0	1
XLOC_010643	XLOC_010643	CCDC105	chr19:15121538-15134083	0	1
XLOC_010645	XLOC_010645	OR111	chr19:15197876-15198944	0	1
XLOC_010647	XLOC_010647	MIR1470	chr19:15532317-15560762	0	1
XLOC_010648	XLOC_010648	CYP4F22	chr19:15619335-15663128	0	1
XLOC_010649	XLOC_010649	CYP4F8	chr19:15726028-15740447	0	1
XLOC_010651	XLOC_010651	CYP4F12	chr19:15783827-15807984	0	1
XLOC_010652	XLOC_010652	OR10H2	chr19:15838833-15839862	0	1
XLOC_010653	XLOC_010653	OR10H3	chr19:15852202-15853153	0	1
XLOC_010654	XLOC_010654	OR10H5	chr19:15904858-15905806	0	1
XLOC_010656	XLOC_010656	OR10H4	chr19:16059817-16060768	0	1
XLOC_010657	XLOC_010657	LINC00661	chr19:16126443-16138272	0	1
XLOC_010658	XLOC_010658	FLJ25328	chr19:16144522-16152918	0	1
XLOC_010685	XLOC_010685	B3GNT3	chr19:17905918-17924385	0	1
XLOC_010696	XLOC_010696	MIR3188	chr19:18392886-18392971	0	1
XLOC_010699	XLOC_010699	MIR3189	chr19:18496967-18499986	0	1
XLOC_010732	XLOC_010732	ZNF257	chr19:22235265-22273903	0	1
XLOC_010733	XLOC_010733	ZNF729	chr19:22469251-22499978	0	1
XLOC_010734	XLOC_010734	LOC440518	chr19:22779058-22786352	0	1
XLOC_010737	XLOC_010737	ZNF726	chr19:24097683-24116769	0	1
XLOC_010739	XLOC_010739	LOC148145	chr19:29456037-29460055	0	1
XLOC_010740	XLOC_010740	LOC100505835	chr19:29493461-29504862	0	1
XLOC_010741	XLOC_010741	VSTM2B	chr19:30017490-30055226	0	1
XLOC_010746	XLOC_010746	ZNF536	chr19:30863327-31048965	0	1
XLOC_010747	XLOC_010747	DKFZp566F0947	chr19:31640782-31641311	0	1
XLOC_010748	XLOC_010748	THEG5	chr19:32083186-32083945	0	1
XLOC_010761	XLOC_010761	CHST8	chr19:34112860-34264414	0	1
XLOC_010769	XLOC_010769	SCGB2B3P	chr19:35136777-35136957	0	1
XLOC_010775	XLOC_010775	HPN	chr19:35531409-35597208	0	1
XLOC_010783	XLOC_010783	MAG	chr19:35782988-35804709	0	1
XLOC_010785	XLOC_010785	FFAR1	chr19:35842444-35843367	0	1
XLOC_010786	XLOC_010786	FFAR3	chr19:35849487-35851389	0	1
XLOC_010787	XLOC_010787	LOC100128682	chr19:35896508-35907742	0	1
XLOC_010802	XLOC_010802	KIRREL2	chr19:36347809-36358048	0	1
XLOC_010812	XLOC_010812	LOC100134317	chr19:36802244-36803570	0	1
XLOC_010839	XLOC_010839	LGALS7B	chr19:39279849-39282394	0	1

XLOC_010845	XLOC_010845	IFNL2	chr19:39759156-39760732	0	1
XLOC_010846	XLOC_010846	IFNL1	chr19:39786964-39789312	0	1
XLOC_010854	XLOC_010854	SELV	chr19:40005752-40011326	0	1
XLOC_010855	XLOC_010855	LGALS13	chr19:40093168-40098114	0	1
XLOC_010857	XLOC_010857	LGALS16	chr19:40146557-40151287	0	1
XLOC_010858	XLOC_010858	LGALS17A	chr19:40170013-40177013	0	1
XLOC_010859	XLOC_010859	LGALS14	chr19:40194945-40200088	0	1
XLOC_010860	XLOC_010860	LEUTX	chr19:40267233-40276775	0	1
XLOC_010872	XLOC_010872	CYP2B7P1	chr19:41430169-41456565	0	1
XLOC_010873	XLOC_010873	CYP2B6	chr19:41497203-41524301	0	1
XLOC_010874	XLOC_010874	CYP2A13	chr19:41594355-41602100	0	1
XLOC_010882	XLOC_010882	C19orf69	chr19:41949062-41950670	0	1
XLOC_010883	XLOC_010883	CEACAM21	chr19:42082530-42093197	0	1
XLOC_010884	XLOC_010884	CEACAM5	chr19:42212529-42234437	0	1
XLOC_010885	XLOC_010885	CEACAM6	chr19:42259397-42276113	0	1
XLOC_010886	XLOC_010886	CEACAM3	chr19:42300533-42315591	0	1
XLOC_010887	XLOC_010887	DMRTC2	chr19:42349085-42356397	0	1
XLOC_010899	XLOC_010899	LOC100289650	chr19:43326014-43331030	0	1
XLOC_010900	XLOC_010900	PRG1	chr19:43853207-43853700	0	1
XLOC_010901	XLOC_010901	CD177	chr19:43857824-43867480	0	1
XLOC_010924	XLOC_010924	CEACAM16	chr19:45202420-45213986	0	1
XLOC_010926	XLOC_010926	CBLC	chr19:45281125-45303903	0	1
XLOC_010948	XLOC_010948	MIR642A	chr19:46171501-46185717	0	1
XLOC_010953	XLOC_010953	MIR769	chr19:46522189-46522307	0	1
XLOC_010955	XLOC_010955	DKFZp434J0226	chr19:46713498-46718094	0	1
XLOC_010956	XLOC_010956	IGFL1	chr19:46720994-46846690	0	1
XLOC_010965	XLOC_010965	MIR3190	chr19:47724078-47736023	0	1
XLOC_010975	XLOC_010975	SNORD23	chr19:48248792-48260323	0	1
XLOC_010978	XLOC_010978	SNAR-A13	chr19:48410934-48411056	0	1
XLOC_010979	XLOC_010979	SNAR-C2	chr19:48416307-48416427	0	1
XLOC_010980	XLOC_010980	SNAR-A2	chr19:48421685-48421807	0	1
XLOC_010981	XLOC_010981	SNAR-A8	chr19:48427035-48427156	0	1
XLOC_010982	XLOC_010982	SNAR-C5	chr19:48432074-48432194	0	1
XLOC_010983	XLOC_010983	SNAR-A2	chr19:48437437-48437559	0	1
XLOC_010984	XLOC_010984	SNAR-C4	chr19:48442797-48442917	0	1
XLOC_010985	XLOC_010985	SNAR-A13	chr19:48448178-48448300	0	1
XLOC_010986	XLOC_010986	SNAR-C3	chr19:48453552-48453671	0	1
XLOC_010987	XLOC_010987	SNAR-C5	chr19:48458938-48459058	0	1
XLOC_010988	XLOC_010988	ELSPBP1	chr19:48497907-48528410	0	1
XLOC_011010	XLOC_011010	SNAR-G1	chr19:49540276-49540404	0	1
XLOC_011023	XLOC_011023	SNORD32A	chr19:49990810-49995564	0	1
XLOC_011025	XLOC_011025	SNORD34	chr19:49990810-49995564	0	1
XLOC_011028	XLOC_011028	SNORD35B	chr19:49999621-50002969	0	1
XLOC_011036	XLOC_011036	MIR5088	chr19:50180408-50191707	0	1
XLOC_011042	XLOC_011042	MIR4749	chr19:50341902-50363999	0	1
XLOC_011044	XLOC_011044	MIR4750	chr19:50380681-50392007	0	1
XLOC_011062	XLOC_011062	KLK2	chr19:51376688-51383823	0	1
XLOC_011065	XLOC_011065	SIGLEC17P	chr19:51670584-51676780	0	1
XLOC_011067	XLOC_011067	SIGLECL1	chr19:51760963-51772582	0	1
XLOC_011070	XLOC_011070	CEACAM18	chr19:51979837-51986611	0	1
XLOC_011072	XLOC_011072	MIR99B	chr19:52195864-52195934	0	1
XLOC_011073	XLOC_011073	MIRLET7E	chr19:52196038-52196117	0	1
XLOC_011074	XLOC_011074	MIR125A	chr19:52196506-52196592	0	1
XLOC_011076	XLOC_011076	FPR2	chr19:52264452-52273779	0	1
XLOC_011081	XLOC_011081	MIR643	chr19:52772823-52795976	0	1
XLOC_011086	XLOC_011086	ZNF534	chr19:52934666-52942699	0	1
XLOC_011092	XLOC_011092	ERVV-2	chr19:53547990-53554380	0	1
XLOC_011095	XLOC_011095	FAM90A27P	chr19:53785542-53787602	0	1
XLOC_011102	XLOC_011102	DPRX	chr19:54135309-54140263	0	1
XLOC_011103	XLOC_011103	MIR512-2	chr19:54169926-54170024	0	1
XLOC_011104	XLOC_011104	MIR512-2	chr19:54172410-54172508	0	1
XLOC_011105	XLOC_011105	MIR1323	chr19:54175221-54175294	0	1
XLOC_011106	XLOC_011106	MIR498	chr19:54177450-54177574	0	1
XLOC_011107	XLOC_011107	MIR520E	chr19:54178964-54179051	0	1
XLOC_011108	XLOC_011108	MIR515-2	chr19:54182256-54182339	0	1
XLOC_011109	XLOC_011109	MIR519E	chr19:54183193-54183277	0	1
XLOC_011110	XLOC_011110	MIR520F	chr19:54185412-54185499	0	1
XLOC_011111	XLOC_011111	MIR515-1	chr19:54188262-54188345	0	1
XLOC_011112	XLOC_011112	MIR519C	chr19:54189722-54189809	0	1
XLOC_011113	XLOC_011113	MIR1283-1	chr19:54191734-54191821	0	1
XLOC_011114	XLOC_011114	MIR520A	chr19:54194134-54194219	0	1
XLOC_011115	XLOC_011115	MIR526B	chr19:54197646-54197729	0	1
XLOC_011116	XLOC_011116	MIR519B	chr19:54198466-54198547	0	1
XLOC_011117	XLOC_011117	MIR525	chr19:54200786-54200871	0	1
XLOC_011118	XLOC_011118	MIR523	chr19:54201638-54201725	0	1
XLOC_011119	XLOC_011119	MIR518F	chr19:54203268-54203355	0	1
XLOC_011120	XLOC_011120	MIR520B	chr19:54204480-54204541	0	1
XLOC_011121	XLOC_011121	MIR518B	chr19:54205990-54206073	0	1
XLOC_011122	XLOC_011122	MIR526A1	chr19:54209505-54209590	0	1

XLOC_011123	XLOC_011123	MIR520C	chr19:54210706-54210793	0	1
XLOC_011124	XLOC_011124	MIR518C	chr19:54211988-54212089	0	1
XLOC_011125	XLOC_011125	MIR524	chr19:54214255-54214342	0	1
XLOC_011126	XLOC_011126	MIR517A	chr19:54215521-54215608	0	1
XLOC_011127	XLOC_011127	MIR519D	chr19:54216600-54216688	0	1
XLOC_011128	XLOC_011128	MIR521-2	chr19:54219847-54219934	0	1
XLOC_011129	XLOC_011129	MIR520D	chr19:54223349-54223436	0	1
XLOC_011130	XLOC_011130	MIR517B	chr19:54224329-54224396	0	1
XLOC_011131	XLOC_011131	MIR520G	chr19:54225419-54225509	0	1
XLOC_011132	XLOC_011132	MIR516B2	chr19:54228695-54228780	0	1
XLOC_011133	XLOC_011133	MIR526A2	chr19:54230175-54230240	0	1
XLOC_011134	XLOC_011134	MIR518E	chr19:54233091-54233179	0	1
XLOC_011135	XLOC_011135	MIR518A1	chr19:54234259-54234344	0	1
XLOC_011136	XLOC_011136	MIR518D	chr19:54238130-54238217	0	1
XLOC_011137	XLOC_011137	MIR516B1	chr19:54240098-54240188	0	1
XLOC_011138	XLOC_011138	MIR518A2	chr19:54242586-54242673	0	1
XLOC_011139	XLOC_011139	MIR517C	chr19:54244566-54244661	0	1
XLOC_011140	XLOC_011140	MIR520H	chr19:54245765-54245853	0	1
XLOC_011141	XLOC_011141	MIR521-1	chr19:54251889-54251976	0	1
XLOC_011142	XLOC_011142	MIR522	chr19:54254464-54254551	0	1
XLOC_011143	XLOC_011143	MIR519A1	chr19:54255650-54255735	0	1
XLOC_011144	XLOC_011144	MIR527	chr19:54257271-54257356	0	1
XLOC_011145	XLOC_011145	MIR516A1	chr19:54259994-54260084	0	1
XLOC_011146	XLOC_011146	MIR1283-2	chr19:54261485-54261572	0	1
XLOC_011147	XLOC_011147	MIR516A2	chr19:54264386-54264476	0	1
XLOC_011148	XLOC_011148	MIR519A2	chr19:54265597-54265684	0	1
XLOC_011149	XLOC_011149	MIR371A	chr19:54290928-54290996	0	1
XLOC_011150	XLOC_011150	MIR372	chr19:54291143-54291210	0	1
XLOC_011151	XLOC_011151	MIR373	chr19:54291958-54292027	0	1
XLOC_011162	XLOC_011162	MIR4752	chr19:54785963-54786035	0	1
XLOC_011166	XLOC_011166	KIR3DX1	chr19:55043908-55055195	0	1
XLOC_011168	XLOC_011168	LILRA1	chr19:55105040-55113687	0	1
XLOC_011170	XLOC_011170	LILRB4	chr19:55174123-55179846	0	1
XLOC_011171	XLOC_011171	LILRP2	chr19:55219600-55224887	0	1
XLOC_011172	XLOC_011172	KIR3DL3	chr19:55235983-55248003	0	1
XLOC_011173	XLOC_011173	KIR2DL3	chr19:55249973-55264504	0	1
XLOC_011174	XLOC_011174	KIR2DL1	chr19:55281264-55295778	0	1
XLOC_011175	XLOC_011175	KIR2DL4,LOC100287534	chr19:55304499-55325972	0	1
XLOC_011176	XLOC_011176	KIR3DL1	chr19:55327892-55342233	0	1
XLOC_011177	XLOC_011177	KIR2DS4	chr19:55344173-55360023	0	1
XLOC_011178	XLOC_011178	KIR3DL2	chr19:55361897-55378670	0	1
XLOC_011180	XLOC_011180	NCR1	chr19:55417507-55424439	0	1
XLOC_011181	XLOC_011181	NLRP2	chr19:55476651-55512510	0	1
XLOC_011200	XLOC_011200	NLRP5	chr19:56511091-56573174	0	1
XLOC_011202	XLOC_011202	GALP	chr19:56687388-56697144	0	1
XLOC_011206	XLOC_011206	LOC100128252	chr19:56989242-57006805	0	1
XLOC_011207	XLOC_011207	ZNF471	chr19:57019211-57040269	0	1
XLOC_011209	XLOC_011209	ZNF470	chr19:57078889-57094262	0	1
XLOC_011212	XLOC_011212	PEG3-AS1	chr19:57285922-57352097	0	1
XLOC_011213	XLOC_011213	MIMT1	chr19:57352269-57359922	0	1
XLOC_011229	XLOC_011229	ZNF530	chr19:58111252-58119637	0	1
XLOC_011230	XLOC_011230	ZNF134	chr19:58125829-58133636	0	1
XLOC_011232	XLOC_011232	ZSCAN4	chr19:58180302-58190520	0	1
XLOC_011238	XLOC_011238	LOC100128398	chr19:58488440-58518574	0	1
XLOC_011239	XLOC_011239	ZSCAN1	chr19:58545433-58565999	0	1
XLOC_011240	XLOC_011240	ZNF135	chr19:58570606-58581110	0	1
XLOC_011247	XLOC_011247	LOC646862	chr19:58907456-58908446	0	1
XLOC_011256	XLOC_011256	FAM138A	chr19:76219-77690	0	1
XLOC_011260	XLOC_011260	THEG	chr19:362056-376013	0	1
XLOC_011267	XLOC_011267	LPPR3	chr19:812487-821952	0	1
XLOC_011293	XLOC_011293	MIR1227	chr19:2233154-2236328	0	1
XLOC_011314	XLOC_011314	RAX2	chr19:3769088-3772219	0	1
XLOC_011320	XLOC_011320	SNORD37	chr19:3976053-3985461	0	1
XLOC_011336	XLOC_011336	ARRDC5	chr19:4890448-4902879	0	1
XLOC_011366	XLOC_011366	MBD3L4	chr19:7037754-7040184	0	1
XLOC_011374	XLOC_011374	CLEC4G	chr19:7793842-7797057	0	1
XLOC_011375	XLOC_011375	CD209	chr19:7804880-7812464	0	1
XLOC_011377	XLOC_011377	LOC388499	chr19:7943516-7945117	0	1
XLOC_011386	XLOC_011386	MIR4999	chr19:8439259-8469317	0	1
XLOC_011390	XLOC_011390	ADAMTS10	chr19:8645125-8675588	0	1
XLOC_011391	XLOC_011391	ACTL9	chr19:8807750-8809172	0	1
XLOC_011393	XLOC_011393	MUC16	chr19:8959519-9092018	0	1
XLOC_011394	XLOC_011394	OR7G2	chr19:9212944-9213982	0	1
XLOC_011395	XLOC_011395	OR7G1	chr19:9225503-9226439	0	1
XLOC_011396	XLOC_011396	OR7G3	chr19:9236687-9237626	0	1
XLOC_011397	XLOC_011397	OR7D4	chr19:9324525-9325547	0	1
XLOC_011400	XLOC_011400	ZNF560	chr19:9377030-9609279	0	1
XLOC_011405	XLOC_011405	ZNF812	chr19:9800813-9811493	0	1
XLOC_011421	XLOC_011421	S1PR5	chr19:10623417-10628668	0	1

XLOC_011426	XLOC_011426	MIR199A1	chr19:10828728-10942586	0	1
XLOC_011458	XLOC_011458	SNORD41	chr19:12810007-12834810	0	1
XLOC_011473	XLOC_011473	MIR27A	chr19:13947253-13947331	0	1
XLOC_011474	XLOC_011474	MIR23A	chr19:13947400-13947473	0	1
XLOC_011488	XLOC_011488	EMR3	chr19:14730050-14785730	0	1
XLOC_011490	XLOC_011490	ORTC1	chr19:14909985-14910948	0	1
XLOC_011491	XLOC_011491	ORTA5	chr19:14937138-14939276	0	1
XLOC_011492	XLOC_011492	ORTA10	chr19:14951759-14952689	0	1
XLOC_011493	XLOC_011493	ORTA17	chr19:14991237-14992167	0	1
XLOC_011502	XLOC_011502	RASAL3	chr19:15562437-15575382	0	1
XLOC_011503	XLOC_011503	PGLYRP2	chr19:15579456-15590315	0	1
XLOC_011504	XLOC_011504	CYP4F24P	chr19:15870143-15890798	0	1
XLOC_011528	XLOC_011528	IL12RB1	chr19:18170370-18197697	0	1
XLOC_011531	XLOC_011531	LOC729966	chr19:18360759-18366229	0	1
XLOC_011540	XLOC_011540	COMP	chr19:18893582-18902114	0	1
XLOC_011548	XLOC_011548	HAPLN4	chr19:19366451-19373596	0	1
XLOC_011560	XLOC_011560	MIR1270-2	chr19:20510080-20510163	0	1
XLOC_011561	XLOC_011561	ZNF826P	chr19:20578625-20607771	0	1
XLOC_011562	XLOC_011562	MIR1270-2	chr19:20578625-20607771	0	1
XLOC_011569	XLOC_011569	ZNF676	chr19:22361902-22379753	0	1
XLOC_011570	XLOC_011570	ZNF98	chr19:22573898-22605148	0	1
XLOC_011572	XLOC_011572	ZNF728	chr19:23157684-23186010	0	1
XLOC_011580	XLOC_011580	LOC284395	chr19:29777917-30016659	0	1
XLOC_011582	XLOC_011582	TSHZ3	chr19:31765850-31840190	0	1
XLOC_011592	XLOC_011592	SCGB2B2	chr19:35084345-35085490	0	1
XLOC_011594	XLOC_011594	LOC400685	chr19:35307057-35323773	0	1
XLOC_011595	XLOC_011595	LOC100652909	chr19:35382932-35389847	0	1
XLOC_011597	XLOC_011597	LOC100128675	chr19:35531409-35597208	0	1
XLOC_011612	XLOC_011612	TYROBP	chr19:36395302-36399211	0	1
XLOC_011639	XLOC_011639	LOC100631378	chr19:38308050-38345836	0	1
XLOC_011642	XLOC_011642	PPP1R14A	chr19:38741876-38747231	0	1
XLOC_011648	XLOC_011648	LGALS7	chr19:39261607-39264157	0	1
XLOC_011658	XLOC_011658	SYCN	chr19:39693561-39694906	0	1
XLOC_011659	XLOC_011659	IFNL3	chr19:39734271-39735611	0	1
XLOC_011660	XLOC_011660	IFNL4	chr19:39736953-39739496	0	1
XLOC_011664	XLOC_011664	MIR4530	chr19:39900262-39900318	0	1
XLOC_011668	XLOC_011668	CLC	chr19:40221892-40228669	0	1
XLOC_011677	XLOC_011677	MIR641	chr19:40736223-40791302	0	1
XLOC_011688	XLOC_011688	CYP2A7	chr19:41381343-41388657	0	1
XLOC_011694	XLOC_011694	LOC100505495	chr19:41960073-42006554	0	1
XLOC_011695	XLOC_011695	CEACAM4	chr19:42125343-42133442	0	1
XLOC_011696	XLOC_011696	CEACAM7	chr19:42177234-42192096	0	1
XLOC_011697	XLOC_011697	LYPD4	chr19:42341149-42348508	0	1
XLOC_011702	XLOC_011702	MIR4323	chr19:42636780-42641251	0	1
XLOC_011713	XLOC_011713	PSG8	chr19:43256838-43269831	0	1
XLOC_011714	XLOC_011714	PSG10P	chr19:43341148-43359870	0	1
XLOC_011715	XLOC_011715	PSG1	chr19:43370612-43383871	0	1
XLOC_011716	XLOC_011716	PSG6	chr19:43406233-43422076	0	1
XLOC_011717	XLOC_011717	PSG7	chr19:43428283-43441330	0	1
XLOC_011719	XLOC_011719	PSG2	chr19:43568361-43586893	0	1
XLOC_011722	XLOC_011722	LOC284344	chr19:43715942-43752798	0	1
XLOC_011744	XLOC_011744	CEACAM20	chr19:45010210-45033548	0	1
XLOC_011746	XLOC_011746	MIR4531	chr19:45147097-45169428	0	1
XLOC_011759	XLOC_011759	MIR330	chr19:46112657-46148775	0	1
XLOC_011760	XLOC_011760	MIR642B	chr19:46171501-46185717	0	1
XLOC_011770	XLOC_011770	NANOS2	chr19:46416472-46418036	0	1
XLOC_011771	XLOC_011771	NOVA2	chr19:46442770-46476657	0	1
XLOC_011774	XLOC_011774	IGFL3	chr19:46623327-46627931	0	1
XLOC_011775	XLOC_011775	RNU6-66	chr19:46720994-46846690	0	1
XLOC_011776	XLOC_011776	CCDC8	chr19:46913585-46916919	0	1
XLOC_011779	XLOC_011779	PNMAL2	chr19:46984044-47104457	0	1
XLOC_011784	XLOC_011784	MIR320E	chr19:47150868-47220384	0	1
XLOC_011787	XLOC_011787	SNAR-E	chr19:47333841-47333961	0	1
XLOC_011797	XLOC_011797	ZNF541	chr19:48023946-48059113	0	1
XLOC_011798	XLOC_011798	TPRX1	chr19:48304499-48306861	0	1
XLOC_011799	XLOC_011799	SULT2A1	chr19:48373722-48389654	0	1
XLOC_011800	XLOC_011800	BSPH1	chr19:48471302-48495427	0	1
XLOC_011826	XLOC_011826	SNAR-G2	chr19:49534925-49535044	0	1
XLOC_011827	XLOC_011827	CGB1	chr19:49538825-49540191	0	1
XLOC_011835	XLOC_011835	MIR4324	chr19:49792891-49828474	0	1
XLOC_011840	XLOC_011840	MIR150	chr19:50004041-50004125	0	1
XLOC_011844	XLOC_011844	TSKS	chr19:50243010-50266515	0	1
XLOC_011852	XLOC_011852	SNAR-A8	chr19:50595745-50595866	0	1
XLOC_011853	XLOC_011853	SNAR-A4	chr19:50601082-50601203	0	1
XLOC_011854	XLOC_011854	SNAR-A10	chr19:50604147-50604268	0	1
XLOC_011855	XLOC_011855	SNAR-A7	chr19:50607211-50607332	0	1
XLOC_011856	XLOC_011856	SNAR-A14	chr19:50610270-50610391	0	1
XLOC_011857	XLOC_011857	SNAR-A3	chr19:50615624-50615745	0	1
XLOC_011858	XLOC_011858	SNAR-A6	chr19:50620976-50621097	0	1

XLOC_011859	XLOC_011859	SNAR-A10	chr19:50626330-50626451	0	1
XLOC_011860	XLOC_011860	SNAR-A8	chr19:50631658-50631779	0	1
XLOC_011861	XLOC_011861	SNAR-B1	chr19:50637001-50637121	0	1
XLOC_011862	XLOC_011862	SNAR-B2	chr19:50642374-50642494	0	1
XLOC_011863	XLOC_011863	SNAR-D	chr19:50643458-50643577	0	1
XLOC_011864	XLOC_011864	IZUMO2	chr19:50655804-50666538	0	1
XLOC_011865	XLOC_011865	KCNC3	chr19:50818764-50832634	0	1
XLOC_011866	XLOC_011866	NAPSB	chr19:50837056-50848005	0	1
XLOC_011875	XLOC_011875	SNORD88B	chr19:51300960-51307974	0	1
XLOC_011876	XLOC_011876	SNORD88A	chr19:51300960-51307974	0	1
XLOC_011877	XLOC_011877	SNORD88C	chr19:51300960-51307974	0	1
XLOC_011882	XLOC_011882	KLK5	chr19:51446558-51456344	0	1
XLOC_011885	XLOC_011885	KLK8	chr19:51499263-51504958	0	1
XLOC_011886	XLOC_011886	KLK9	chr19:51505768-51512890	0	1
XLOC_011887	XLOC_011887	KLK10	chr19:51515999-51529431	0	1
XLOC_011888	XLOC_011888	KLK11	chr19:51525486-51531290	0	1
XLOC_011889	XLOC_011889	KLK12	chr19:51532347-51538148	0	1
XLOC_011890	XLOC_011890	KLK13	chr19:51559462-51568367	0	1
XLOC_011900	XLOC_011900	SIGLEC8	chr19:51954250-51961708	0	1
XLOC_011901	XLOC_011901	SIGLEC12	chr19:51994612-52005043	0	1
XLOC_011902	XLOC_011902	SIGLEC6	chr19:52022783-52035110	0	1
XLOC_011907	XLOC_011907	FPR1	chr19:52249022-52255150	0	1
XLOC_011926	XLOC_011926	ZNF415	chr19:53611131-53636173	0	1
XLOC_011930	XLOC_011930	VN1R4	chr19:53770012-53770918	0	1
XLOC_011931	XLOC_011931	BIRC8	chr19:53792853-53794875	0	1
XLOC_011933	XLOC_011933	MIR371B	chr19:54290928-54290996	0	1
XLOC_011936	XLOC_011936	TARM1	chr19:54573200-54584634	0	1
XLOC_011944	XLOC_011944	LILRB5	chr19:54754269-54761167	0	1
XLOC_011945	XLOC_011945	LILRB2	chr19:54777674-54785033	0	1
XLOC_011946	XLOC_011946	LILRA3	chr19:54799854-54804265	0	1
XLOC_011948	XLOC_011948	LILRA4	chr19:54844691-54850421	0	1
XLOC_011952	XLOC_011952	NLRP7	chr19:55434876-55458873	0	1
XLOC_011953	XLOC_011953	RNU6-64	chr19:55471012-55471043	0	1
XLOC_011967	XLOC_011967	FAM71E2	chr19:55866275-55874620	0	1
XLOC_011973	XLOC_011973	SBK2	chr19:56041099-56048435	0	1
XLOC_011974	XLOC_011974	SGK110	chr19:56052022-56056909	0	1
XLOC_011980	XLOC_011980	NLRP13	chr19:56407310-56443702	0	1
XLOC_011988	XLOC_011988	ZIM3	chr19:57645463-57656570	0	1
XLOC_012000	XLOC_012000	ZNF418	chr19:58433251-58446740	0	1
XLOC_012001	XLOC_012001	ZNF256	chr19:58452200-58459077	0	1
XLOC_012002	XLOC_012002	C19orf18	chr19:58469804-58485902	0	1
XLOC_012003	XLOC_012003	ZNF606	chr19:58488440-58518574	0	1
XLOC_012009	XLOC_012009	MIR4754	chr19:58898136-58898225	0	1
XLOC_012027	XLOC_012027	TPO	chr2:1417232-1546499	0	1
XLOC_012028	XLOC_012028	LOC730811	chr2:1792884-2335045	0	1
XLOC_012034	XLOC_012034	SOX11	chr2:5832798-5841517	0	1
XLOC_012035	XLOC_012035	LOC150622	chr2:6072818-6120350	0	1
XLOC_012036	XLOC_012036	LOC400940	chr2:6122109-6128364	0	1
XLOC_012051	XLOC_012051	KCNF1	chr2:11052062-11054351	0	1
XLOC_012058	XLOC_012058	MIR3125	chr2:12856997-12882858	0	1
XLOC_012061	XLOC_012061	MYCN	chr2:16080019-16087129	0	1
XLOC_012064	XLOC_012064	MSGN1	chr2:17997785-17998367	0	1
XLOC_012065	XLOC_012065	KCNS3	chr2:18059944-18114225	0	1
XLOC_012066	XLOC_012066	MIR4757	chr2:19548189-19548266	0	1
XLOC_012067	XLOC_012067	FLJ12334	chr2:20068614-20084808	0	1
XLOC_012069	XLOC_012069	GDF7	chr2:20866423-20871250	0	1
XLOC_012085	XLOC_012085	C2orf70	chr2:26785480-26802395	0	1
XLOC_012096	XLOC_012096	TCF23	chr2:27371944-27375819	0	1
XLOC_012099	XLOC_012099	DNAJC5G	chr2:27498288-27504296	0	1
XLOC_012112	XLOC_012112	MIR4263	chr2:28004265-28561767	0	1
XLOC_012118	XLOC_012118	SNORD92	chr2:29117532-29171080	0	1
XLOC_012119	XLOC_012119	SNORD53	chr2:29117532-29171080	0	1
XLOC_012125	XLOC_012125	EHD3	chr2:31456879-31491260	0	1
XLOC_012130	XLOC_012130	MIR558	chr2:32582095-32843965	0	1
XLOC_012132	XLOC_012132	MIR4765	chr2:32853086-33046118	0	1
XLOC_012133	XLOC_012133	LINC00486	chr2:33050509-33171202	0	1
XLOC_012134	XLOC_012134	LOC100271832	chr2:33050509-33171202	0	1
XLOC_012138	XLOC_012138	VIT	chr2:36923832-37041937	0	1
XLOC_012144	XLOC_012144	CYP11B1-AS1	chr2:38358246-38408993	0	1
XLOC_012151	XLOC_012151	SLC8A1-AS1	chr2:40144773-40739575	0	1
XLOC_012152	XLOC_012152	LOC388942	chr2:42104694-42121186	0	1
XLOC_012159	XLOC_012159	ABCG8	chr2:44066102-44105605	0	1
XLOC_012173	XLOC_012173	EPCAM	chr2:47596286-47614167	0	1
XLOC_012174	XLOC_012174	MIR559	chr2:47596286-47614167	0	1
XLOC_012190	XLOC_012190	CCDC85A	chr2:56411257-56613309	0	1
XLOC_012192	XLOC_012192	FLJ30838	chr2:58747887-59290901	0	1
XLOC_012201	XLOC_012201	MIR5192	chr2:62423261-62451866	0	1
XLOC_012208	XLOC_012208	MIR4434	chr2:64751438-64820138	0	1
XLOC_012209	XLOC_012209	LOC339807	chr2:64834445-64843616	0	1

XLOC_012216	XLOC_012216	PLEK	chr2:68592321-68624585	0	1
XLOC_012218	XLOC_012218	PROKR1	chr2:68872953-68882708	0	1
XLOC_012220	XLOC_012220	GKN1	chr2:69201704-69208112	0	1
XLOC_012221	XLOC_012221	ANTXR1	chr2:69240275-69476459	0	1
XLOC_012222	XLOC_012222	MIR3126	chr2:69240275-69476459	0	1
XLOC_012232	XLOC_012232	OR7E91P	chr2:71251204-71257060	0	1
XLOC_012238	XLOC_012238	EMX1	chr2:73144603-73162020	0	1
XLOC_012239	XLOC_012239	NOTO	chr2:73429385-73438340	0	1
XLOC_012251	XLOC_012251	DCTN1-AS1	chr2:74588280-74621008	0	1
XLOC_012262	XLOC_012262	MIR5000	chr2:75273589-75426645	0	1
XLOC_012264	XLOC_012264	REG3G	chr2:79252811-79255630	0	1
XLOC_012265	XLOC_012265	REG1A	chr2:79347583-79350545	0	1
XLOC_012267	XLOC_012267	LOC1720	chr2:83083926-83084893	0	1
XLOC_012268	XLOC_012268	FUNDC2P2	chr2:84517805-84519324	0	1
XLOC_012289	XLOC_012289	RGPD1_RGPD2	chr2:87140934-87248973	0	1
XLOC_012291	XLOC_012291	MIR4435-1	chr2:87929273-87929353	0	1
XLOC_012293	XLOC_012293	SMYD1	chr2:88367298-88412902	0	1
XLOC_012294	XLOC_012294	THNSL2	chr2:88469813-88486156	0	1
XLOC_012295	XLOC_012295	TEX37	chr2:88824168-88829103	0	1
XLOC_012298	XLOC_012298	MIR4436A	chr2:89111883-89111968	0	1
XLOC_012300	XLOC_012300	ACTR3BP2	chr2:92129158-92130496	0	1
XLOC_012302	XLOC_012302	MAL	chr2:95691399-95719737	0	1
XLOC_012307	XLOC_012307	TRIM43	chr2:96257765-96265469	0	1
XLOC_012316	XLOC_012316	MIR3127	chr2:97426638-97477628	0	1
XLOC_012323	XLOC_012323	VWA3B	chr2:98703594-98929410	0	1
XLOC_012324	XLOC_012324	CNGA3	chr2:98962617-99015064	0	1
XLOC_012331	XLOC_012331	NMS	chr2:101086943-101099742	0	1
XLOC_012336	XLOC_012336	MIR5696	chr2:101925911-101925996	0	1
XLOC_012338	XLOC_012338	IL1R2	chr2:102608305-102644884	0	1
XLOC_012340	XLOC_012340	IL1RL2	chr2:102803432-102855811	0	1
XLOC_012344	XLOC_012344	MIR4772	chr2:103035253-103069024	0	1
XLOC_012348	XLOC_012348	LOC150568	chr2:105050804-105129215	0	1
XLOC_012349	XLOC_012349	POU3F3	chr2:105471968-105473471	0	1
XLOC_012355	XLOC_012355	PLGLA	chr2:106998569-107007851	0	1
XLOC_012357	XLOC_012357	SLC5A7	chr2:108602994-108630443	0	1
XLOC_012358	XLOC_012358	SULT1C3	chr2:108863650-108881807	0	1
XLOC_012359	XLOC_012359	SULT1C2	chr2:108905094-108926371	0	1
XLOC_012360	XLOC_012360	SULT1C2P1	chr2:108938693-108970254	0	1
XLOC_012361	XLOC_012361	SULT1C4	chr2:108994420-109004270	0	1
XLOC_012369	XLOC_012369	LIMS3L	chr2:110656008-110726149	0	1
XLOC_012371	XLOC_012371	LOC100507334	chr2:111003214-1111024135	0	1
XLOC_012372	XLOC_012372	MIR4436B2	chr2:111042429-111042520	0	1
XLOC_012373	XLOC_012373	ACOXL	chr2:111490149-111875799	0	1
XLOC_012385	XLOC_012385	IL36A	chr2:113763448-113765621	0	1
XLOC_012386	XLOC_012386	IL36RN	chr2:113816214-113822320	0	1
XLOC_012387	XLOC_012387	IL1F10	chr2:113825546-113833427	0	1
XLOC_012388	XLOC_012388	IL1RN	chr2:113875469-113891593	0	1
XLOC_012394	XLOC_012394	FAM138B	chr2:114334958-114336429	0	1
XLOC_012399	XLOC_012399	DPP10	chr2:115199898-116602326	0	1
XLOC_012402	XLOC_012402	MARCO	chr2:119699744-119752236	0	1
XLOC_012406	XLOC_012406	PCDP1	chr2:120302007-120414237	0	1
XLOC_012412	XLOC_012412	GLI2	chr2:121554866-121750229	0	1
XLOC_012416	XLOC_012416	CNTNAP5	chr2:124782863-125672863	0	1
XLOC_012417	XLOC_012417	GYPC	chr2:127413510-127454251	0	1
XLOC_012420	XLOC_012420	GPR17	chr2:128395995-128439360	0	1
XLOC_012428	XLOC_012428	CFC1B	chr2:131278666-131285565	0	1
XLOC_012429	XLOC_012429	LOC646743.TISP43	chr2:131328401-131341734	0	1
XLOC_012430	XLOC_012430	CYP4F30P	chr2:131437622-131443435	0	1
XLOC_012431	XLOC_012431	GPR148	chr2:131486642-131487909	0	1
XLOC_012435	XLOC_012435	POTEE	chr2:131975923-132022416	0	1
XLOC_012436	XLOC_012436	LOC440910	chr2:132036862-132057392	0	1
XLOC_012437	XLOC_012437	LOC389043	chr2:132160473-132165801	0	1
XLOC_012438	XLOC_012438	RNU6-81	chr2:132202795-132360468	0	1
XLOC_012444	XLOC_012444	MIR3679	chr2:134884695-134884763	0	1
XLOC_012446	XLOC_012446	ACMSD	chr2:135596185-135676176	0	1
XLOC_012450	XLOC_012450	MIR128-1	chr2:136289082-136482839	0	1
XLOC_012452	XLOC_012452	LOC100507600	chr2:136545414-136594750	0	1
XLOC_012453	XLOC_012453	THSD7B	chr2:137748461-138435287	0	1
XLOC_012458	XLOC_012458	ARHGAP15	chr2:143886898-144525921	0	1
XLOC_012459	XLOC_012459	ZEB2-AS1	chr2:145141941-145278465	0	1
XLOC_012460	XLOC_012460	DKFZp686O1327	chr2:145425533-145834291	0	1
XLOC_012466	XLOC_012466	LYPD6B	chr2:149894980-150071772	0	1
XLOC_012468	XLOC_012468	TNFAIP6	chr2:152214105-152236562	0	1
XLOC_012469	XLOC_012469	MIR4773-1	chr2:152214105-152236562	0	1
XLOC_012473	XLOC_012473	GALNT13	chr2:154728425-155313950	0	1
XLOC_012476	XLOC_012476	GALNT5	chr2:158114339-158167913	0	1
XLOC_012478	XLOC_012478	CCDC148-AS1	chr2:159023161-159313265	0	1
XLOC_012480	XLOC_012480	DAPL1	chr2:159651828-159672496	0	1
XLOC_012485	XLOC_012485	TBR1	chr2:162272619-162281573	0	1

XLOC_012489	XLOC_012489	CSRNP3	chr2:166326156-166545917	0	1
XLOC_012491	XLOC_012491	XIRP2	chr2:167744996-168116261	0	1
XLOC_012494	XLOC_012494	MIR4774	chr2:169312758-169642939	0	1
XLOC_012496	XLOC_012496	G6PC2	chr2:169757749-169766510	0	1
XLOC_012504	XLOC_012504	MYO3B	chr2:171034654-171511674	0	1
XLOC_012520	XLOC_012520	LOC285084	chr2:175190754-175195370	0	1
XLOC_012521	XLOC_012521	SP9	chr2:175199820-175202268	0	1
XLOC_012524	XLOC_012524	HOXD12	chr2:176964529-176965488	0	1
XLOC_012525	XLOC_012525	HOXD11	chr2:176972083-176974316	0	1
XLOC_012526	XLOC_012526	HOXD10	chr2:176981491-176984670	0	1
XLOC_012529	XLOC_012529	MIR10B	chr2:177015030-177015140	0	1
XLOC_012537	XLOC_012537	OSBPL6	chr2:179059207-179672150	0	1
XLOC_012542	XLOC_012542	ITGA4	chr2:182321618-182521834	0	1
XLOC_012544	XLOC_012544	PPP1R1C	chr2:182818967-182996109	0	1
XLOC_012548	XLOC_012548	ZNF804A	chr2:185463092-185804214	0	1
XLOC_012554	XLOC_012554	MIR561	chr2:189156395-189460652	0	1
XLOC_012555	XLOC_012555	COL3A1	chr2:189839098-189877472	0	1
XLOC_012556	XLOC_012556	MIR1245A	chr2:189839098-189877472	0	1
XLOC_012568	XLOC_012568	PCGEM1	chr2:193614570-193641625	0	1
XLOC_012574	XLOC_012574	PLCL1	chr2:198669425-199014608	0	1
XLOC_012589	XLOC_012589	CDK15	chr2:202671151-202760273	0	1
XLOC_012592	XLOC_012592	SNORD70	chr2:203130514-203168384	0	1
XLOC_012593	XLOC_012593	SNORD11B	chr2:203130514-203168384	0	1
XLOC_012594	XLOC_012594	SNORD11	chr2:203130514-203168384	0	1
XLOC_012601	XLOC_012601	CD28	chr2:204571197-204603636	0	1
XLOC_012603	XLOC_012603	ICOS	chr2:204801470-204826298	0	1
XLOC_012607	XLOC_012607	SNORD51	chr2:207024317-207027653	0	1
XLOC_012610	XLOC_012610	ADAM23	chr2:207308367-207482679	0	1
XLOC_012611	XLOC_012611	LOC200726	chr2:207507141-207514173	0	1
XLOC_012613	XLOC_012613	MIR3130-2	chr2:207630111-207660911	0	1
XLOC_012617	XLOC_012617	LOC100507443	chr2:208983852-209021486	0	1
XLOC_012620	XLOC_012620	PTH2R	chr2:209224568-209359231	0	1
XLOC_012622	XLOC_012622	UNC80	chr2:210636716-210864024	0	1
XLOC_012625	XLOC_012625	CPS1-IT1	chr2:211342405-211543831	0	1
XLOC_012627	XLOC_012627	VWC2L	chr2:215276460-215440653	0	1
XLOC_012628	XLOC_012628	VWC2L-IT1	chr2:215276460-215440653	0	1
XLOC_012644	XLOC_012644	MIR26B	chr2:219263060-219270664	0	1
XLOC_012645	XLOC_012645	VIL1	chr2:219283837-219314248	0	1
XLOC_012652	XLOC_012652	WNT6	chr2:219724545-219738954	0	1
XLOC_012654	XLOC_012654	CDK5R2	chr2:219824349-219826877	0	1
XLOC_012655	XLOC_012655	LINC00608	chr2:219841005-219842644	0	1
XLOC_012656	XLOC_012656	LOC100129175	chr2:219866936-219906245	0	1
XLOC_012671	XLOC_012671	CCDC140	chr2:223064605-223169936	0	1
XLOC_012673	XLOC_012673	MOGAT1	chr2:223536456-223574649	0	1
XLOC_012675	XLOC_012675	KCNE4	chr2:223916647-223920357	0	1
XLOC_012677	XLOC_012677	NYAP2	chr2:226265601-226518734	0	1
XLOC_012678	XLOC_012678	MIR548AR	chr2:226628160-226628181	0	1
XLOC_012679	XLOC_012679	LOC646736	chr2:227007509-227044778	0	1
XLOC_012684	XLOC_012684	CCL20	chr2:228678557-228682280	0	1
XLOC_012693	XLOC_012693	SPATA3	chr2:231860838-231871999	0	1
XLOC_012697	XLOC_012697	MIR4777	chr2:232063293-232238606	0	1
XLOC_012699	XLOC_012699	C2orf57	chr2:232457574-232458994	0	1
XLOC_012703	XLOC_012703	ALPP	chr2:233243347-233247599	0	1
XLOC_012704	XLOC_012704	ALPPL2	chr2:233271551-233275424	0	1
XLOC_012705	XLOC_012705	ALPI	chr2:233320832-233324742	0	1
XLOC_012713	XLOC_012713	NEU2	chr2:233897381-233899767	0	1
XLOC_012720	XLOC_012720	UGT1A1,UGT1A10,UGT1A3,UGT	chr2:234526290-234681951	0	1
XLOC_012721	XLOC_012721	TRPM8	chr2:234826042-234928166	0	1
XLOC_012722	XLOC_012722	SPP2	chr2:234959345-234985776	0	1
XLOC_012725	XLOC_012725	CXCR7	chr2:237478379-237490994	0	1
XLOC_012727	XLOC_012727	MLPH	chr2:238395877-238463961	0	1
XLOC_012728	XLOC_012728	PRLH	chr2:238475216-238475818	0	1
XLOC_012738	XLOC_012738	TWIST2	chr2:239756672-239832237	0	1
XLOC_012739	XLOC_012739	MIR4269	chr2:239969863-240322643	0	1
XLOC_012740	XLOC_012740	LOC150935	chr2:240684553-240722356	0	1
XLOC_012742	XLOC_012742	MIR149	chr2:241375114-241407495	0	1
XLOC_012758	XLOC_012758	GAL3ST2	chr2:242716239-242743702	0	1
XLOC_012760	XLOC_012760	CXXC11	chr2:242811885-242815482	0	1
XLOC_012764	XLOC_012764	FAM150B	chr2:279560-288308	0	1
XLOC_012766	XLOC_012766	LOC339822	chr2:779836-864112	0	1
XLOC_012768	XLOC_012768	MYT1L	chr2:1792884-2335045	0	1
XLOC_012772	XLOC_012772	LOC100505964	chr2:4005244-4021622	0	1
XLOC_012773	XLOC_012773	LOC727982	chr2:4675807-4703812	0	1
XLOC_012774	XLOC_012774	LINC00487	chr2:6869299-6910442	0	1
XLOC_012777	XLOC_012777	LOC339788	chr2:8062555-8116945	0	1
XLOC_012778	XLOC_012778	LINC00299	chr2:8147900-8468549	0	1
XLOC_012785	XLOC_012785	MIR4261	chr2:10281980-10350942	0	1
XLOC_012790	XLOC_012790	FLJ33534	chr2:11239976-11272302	0	1
XLOC_012793	XLOC_012793	MIR4429	chr2:11674241-11782912	0	1

XLOC_012794	XLOC_012794	NTSR2	chr2:11798303-11810329	0	1
XLOC_012795	XLOC_012795	MIR4262	chr2:11977058-11977112	0	1
XLOC_012796	XLOC_012796	LOC100506474	chr2:13106907-13147138	0	1
XLOC_012798	XLOC_012798	MYCNOS	chr2:16080019-16087129	0	1
XLOC_012800	XLOC_012800	RAD51AP2	chr2:17691985-17699702	0	1
XLOC_012803	XLOC_012803	OSR1	chr2:19551245-19558372	0	1
XLOC_012812	XLOC_012812	APOB	chr2:21224300-21266945	0	1
XLOC_012823	XLOC_012823	POMC	chr2:25383721-25391559	0	1
XLOC_012825	XLOC_012825	MIR1301	chr2:25455829-25565459	0	1
XLOC_012836	XLOC_012836	C2orf53	chr2:27359714-27362332	0	1
XLOC_012838	XLOC_012838	SLC30A3	chr2:27477439-27485960	0	1
XLOC_012853	XLOC_012853	C2orf71	chr2:29284555-29297127	0	1
XLOC_012854	XLOC_012854	ALK	chr2:29415639-30144477	0	1
XLOC_012855	XLOC_012855	CAPN13	chr2:30945637-31030311	0	1
XLOC_012856	XLOC_012856	GALNT14	chr2:31133330-31361592	0	1
XLOC_012857	XLOC_012857	CAPN14	chr2:31395921-31440411	0	1
XLOC_012859	XLOC_012859	SRD5A2	chr2:31749655-31806040	0	1
XLOC_012870	XLOC_012870	SULT6B1	chr2:37394962-37415690	0	1
XLOC_012879	XLOC_012879	LOC375196	chr2:39146503-39202590	0	1
XLOC_012884	XLOC_012884	SLC8A1	chr2:40144773-40739575	0	1
XLOC_012887	XLOC_012887	KCNG3	chr2:42669156-42721237	0	1
XLOC_012889	XLOC_012889	HAAO	chr2:42994228-43019751	0	1
XLOC_012892	XLOC_012892	LOC728819	chr2:43864438-43995126	0	1
XLOC_012896	XLOC_012896	MIR548AD	chr2:44589042-44999731	0	1
XLOC_012897	XLOC_012897	SIX2	chr2:45232323-45236542	0	1
XLOC_012903	XLOC_012903	C2orf61	chr2:47314129-47382517	0	1
XLOC_012905	XLOC_012905	KCNK12	chr2:47747914-47797470	0	1
XLOC_012907	XLOC_012907	LHCGR	chr2:48757063-49003656	0	1
XLOC_012908	XLOC_012908	FSHR	chr2:49189295-49381666	0	1
XLOC_012909	XLOC_012909	NRXN1	chr2:50145642-51259674	0	1
XLOC_012911	XLOC_012911	MIR3682	chr2:53897116-54087170	0	1
XLOC_012920	XLOC_012920	EFEMP1	chr2:56093096-56151298	0	1
XLOC_012921	XLOC_012921	MIR217	chr2:56210101-56210211	0	1
XLOC_012922	XLOC_012922	MIR216A	chr2:56216084-56216194	0	1
XLOC_012923	XLOC_012923	MIR216B	chr2:56227848-56227930	0	1
XLOC_012925	XLOC_012925	MIR4432	chr2:60614496-60614580	0	1
XLOC_012929	XLOC_012929	LOC339803	chr2:61368726-61372110	0	1
XLOC_012931	XLOC_012931	SNORA70B	chr2:61404554-61697849	0	1
XLOC_012941	XLOC_012941	LINC00309	chr2:64412212-64432619	0	1
XLOC_012946	XLOC_012946	MIR4778	chr2:66585380-66585460	0	1
XLOC_012947	XLOC_012947	MEIS1-AS3	chr2:66650474-66660602	0	1
XLOC_012948	XLOC_012948	LOC644838	chr2:67350488-67442451	0	1
XLOC_012952	XLOC_012952	CNRI1	chr2:68511302-68547183	0	1
XLOC_012954	XLOC_012954	BMP10	chr2:69092612-69098649	0	1
XLOC_012955	XLOC_012955	GKN2	chr2:69172363-69180102	0	1
XLOC_012968	XLOC_012968	FIGLA	chr2:71004441-71017775	0	1
XLOC_012969	XLOC_012969	CLEC4F	chr2:71035775-71047732	0	1
XLOC_012980	XLOC_012980	EGR4	chr2:73518056-73520829	0	1
XLOC_012981	XLOC_012981	NAT8	chr2:73867849-73869537	0	1
XLOC_012982	XLOC_012982	NAT8B	chr2:73927635-73928467	0	1
XLOC_013000	XLOC_013000	EVA1A	chr2:75719443-75796848	0	1
XLOC_013002	XLOC_013002	LRRTM4	chr2:76974849-77749502	0	1
XLOC_013003	XLOC_013003	SNAR-H	chr2:78182032-78182152	0	1
XLOC_013004	XLOC_013004	REG1B	chr2:79312148-79315150	0	1
XLOC_013005	XLOC_013005	REG1P	chr2:79362628-79365553	0	1
XLOC_013007	XLOC_013007	MIR4264	chr2:79740059-80875988	0	1
XLOC_013008	XLOC_013008	LRRTM1	chr2:79740059-80875988	0	1
XLOC_013023	XLOC_013023	MIR4779	chr2:86371054-86422893	0	1
XLOC_013027	XLOC_013027	CD8B	chr2:87042459-87122165	0	1
XLOC_013032	XLOC_013032	MIR4780	chr2:88367298-88412902	0	1
XLOC_013041	XLOC_013041	TRIM43B	chr2:96142714-96150479	0	1
XLOC_013055	XLOC_013055	FAM178B	chr2:97541618-97652301	0	1
XLOC_013072	XLOC_013072	CHST10	chr2:101008321-101034130	0	1
XLOC_013076	XLOC_013076	CREG2	chr2:101964815-102003965	0	1
XLOC_013077	XLOC_013077	RFX8	chr2:102013822-102091165	0	1
XLOC_013079	XLOC_013079	LOC100287010	chr2:104995307-105024790	0	1
XLOC_013080	XLOC_013080	LOC284998	chr2:105363094-105374177	0	1
XLOC_013081	XLOC_013081	LOC100506421	chr2:105421882-105467934	0	1
XLOC_013084	XLOC_013084	LOC285000	chr2:106209553-106227016	0	1
XLOC_013091	XLOC_013091	MIR4265	chr2:109743783-110262207	0	1
XLOC_013092	XLOC_013092	MIR4266	chr2:109743783-110262207	0	1
XLOC_013094	XLOC_013094	MIR4267	chr2:110827537-110827619	0	1
XLOC_013096	XLOC_013096	MIR4436B1	chr2:110841446-110874143	0	1
XLOC_013100	XLOC_013100	LIMS3	chr2:111160495-111230652	0	1
XLOC_013101	XLOC_013101	RGPD5, RGPDP6	chr2:111271378-111336309	0	1
XLOC_013103	XLOC_013103	MIR4435-1	chr2:112078588-112078668	0	1
XLOC_013111	XLOC_013111	IL1B	chr2:113587336-113594356	0	1
XLOC_013112	XLOC_013112	IL36B	chr2:113779667-113810440	0	1
XLOC_013117	XLOC_013117	MIR4782	chr2:114471932-114514400	0	1

XLOC_013118	XLOC_013118	LOC100499194	chr2:114735245-114764887	0	1
XLOC_013119	XLOC_013119	LOC389023	chr2:115199898-116602326	0	1
XLOC_013121	XLOC_013121	EN1	chr2:119599746-119605759	0	1
XLOC_013124	XLOC_013124	SCTR	chr2:120197418-120282028	0	1
XLOC_013126	XLOC_013126	LOC84931	chr2:121221910-121223925	0	1
XLOC_013131	XLOC_013131	CYP27C1	chr2:127941411-127963343	0	1
XLOC_013134	XLOC_013134	MIR4783	chr2:128175995-128186822	0	1
XLOC_013142	XLOC_013142	LOC389033	chr2:130680434-130691890	0	1
XLOC_013143	XLOC_013143	LOC100131320	chr2:130724164-130740311	0	1
XLOC_013144	XLOC_013144	LOC440905	chr2:130783571-130808704	0	1
XLOC_013145	XLOC_013145	POTEF	chr2:130831107-130886795	0	1
XLOC_013151	XLOC_013151	LOC646743,TISP43	chr2:131294142-131307488	0	1
XLOC_013152	XLOC_013152	CFC1,CFC1B	chr2:131349737-131357251	0	1
XLOC_013157	XLOC_013157	MIR4784	chr2:132202795-132360468	0	1
XLOC_013158	XLOC_013158	C2orf27B	chr2:132552533-132559234	0	1
XLOC_013160	XLOC_013160	MIR663B	chr2:132905163-133015542	0	1
XLOC_013162	XLOC_013162	NCKAP5	chr2:133429371-134326031	0	1
XLOC_013165	XLOC_013165	MAP3K19	chr2:135722272-135782248	0	1
XLOC_013170	XLOC_013170	CXCR4	chr2:136871918-136875725	0	1
XLOC_013171	XLOC_013171	NXP2	chr2:139426726-139537811	0	1
XLOC_013172	XLOC_013172	LRP1B	chr2:140988995-142889270	0	1
XLOC_013174	XLOC_013174	ZEB2	chr2:145141941-145278465	0	1
XLOC_013186	XLOC_013186	RPRM	chr2:154333851-154335322	0	1
XLOC_013189	XLOC_013189	ERMN	chr2:158175124-158184146	0	1
XLOC_013190	XLOC_013190	CYTIP	chr2:158271130-158300604	0	1
XLOC_013197	XLOC_013197	PLA2R1	chr2:160797259-160919126	0	1
XLOC_013198	XLOC_013198	ITGB6	chr2:160958232-161056590	0	1
XLOC_013200	XLOC_013200	MIR4785	chr2:161128661-161350318	0	1
XLOC_013202	XLOC_013202	DPP4	chr2:162848754-162931052	0	1
XLOC_013203	XLOC_013203	GCG	chr2:162999378-163008914	0	1
XLOC_013204	XLOC_013204	FAP	chr2:163027199-163100045	0	1
XLOC_013206	XLOC_013206	KCNH7	chr2:163227916-163695257	0	1
XLOC_013207	XLOC_013207	FIGN	chr2:164464117-164592513	0	1
XLOC_013208	XLOC_013208	GRB14	chr2:165349322-165478360	0	1
XLOC_013210	XLOC_013210	SNORA70F	chr2:165541257-165697928	0	1
XLOC_013211	XLOC_013211	SLC38A11	chr2:165754708-165812035	0	1
XLOC_013216	XLOC_013216	SCN1A	chr2:166845669-167005642	0	1
XLOC_013217	XLOC_013217	SCN9A	chr2:167051696-167232497	0	1
XLOC_013218	XLOC_013218	SCN7A	chr2:167260082-167343481	0	1
XLOC_013222	XLOC_013222	ABCB11	chr2:169779448-169887833	0	1
XLOC_013223	XLOC_013223	LRP2	chr2:169983618-170219122	0	1
XLOC_013238	XLOC_013238	WIPF1	chr2:175424301-175547627	0	1
XLOC_013239	XLOC_013239	CHRNA1	chr2:175612322-175629200	0	1
XLOC_013242	XLOC_013242	MIR933	chr2:175936977-176032934	0	1
XLOC_013245	XLOC_013245	EVX2	chr2:176944834-176948690	0	1
XLOC_013248	XLOC_013248	MIR1246	chr2:177465707-177465780	0	1
XLOC_013251	XLOC_013251	MIR3128	chr2:178095030-178129859	0	1
XLOC_013262	XLOC_013262	MIR1258	chr2:180306710-180726232	0	1
XLOC_013264	XLOC_013264	MIR4437	chr2:182170319-182170379	0	1
XLOC_013267	XLOC_013267	PDE1A	chr2:183004761-183387572	0	1
XLOC_013270	XLOC_013270	ZSWIM2	chr2:187692206-187713897	0	1
XLOC_013273	XLOC_013273	DIRC1	chr2:189598464-189654831	0	1
XLOC_013274	XLOC_013274	MIR1245B	chr2:189839098-18987472	0	1
XLOC_013276	XLOC_013276	MIR3129	chr2:189896640-190044605	0	1
XLOC_013277	XLOC_013277	SLC40A1	chr2:190425315-190445537	0	1
XLOC_013285	XLOC_013285	SDPR	chr2:192699031-192712006	0	1
XLOC_013286	XLOC_013286	TMEFF2	chr2:192814746-193059644	0	1
XLOC_013298	XLOC_013298	BOLL	chr2:198591602-198650938	0	1
XLOC_013323	XLOC_013323	DYTN	chr2:207516344-207583120	0	1
XLOC_013327	XLOC_013327	MIR2355	chr2:207938861-208031970	0	1
XLOC_013331	XLOC_013331	CRYGD	chr2:208983852-209021486	0	1
XLOC_013332	XLOC_013332	CRYGC	chr2:208983852-209021486	0	1
XLOC_013333	XLOC_013333	CRYGB	chr2:208983852-209021486	0	1
XLOC_013334	XLOC_013334	CRYGA	chr2:209025463-209028297	0	1
XLOC_013335	XLOC_013335	C2orf80	chr2:209030070-209054773	0	1
XLOC_013338	XLOC_013338	ACADL	chr2:211052715-211090215	0	1
XLOC_013339	XLOC_013339	MYL1	chr2:211154867-211179895	0	1
XLOC_013342	XLOC_013342	MIR548F2	chr2:212240441-213403352	0	1
XLOC_013343	XLOC_013343	MIR4776-2	chr2:213790980-213791060	0	1
XLOC_013349	XLOC_013349	LINC00607	chr2:216476285-216708259	0	1
XLOC_013353	XLOC_013353	IGFBP5	chr2:217536827-217560272	0	1
XLOC_013354	XLOC_013354	TNP1	chr2:217724181-217724782	0	1
XLOC_013357	XLOC_013357	CXCR2P1	chr2:218899656-218955304	0	1
XLOC_013364	XLOC_013364	PRKAG3	chr2:219687105-219696512	0	1
XLOC_013366	XLOC_013366	CRYBA2	chr2:219854911-219858127	0	1
XLOC_013367	XLOC_013367	MIR375	chr2:219866366-219866430	0	1
XLOC_013370	XLOC_013370	MIR3131	chr2:219919141-219925238	0	1
XLOC_013379	XLOC_013379	MIR153-1	chr2:220154344-220174295	0	1
XLOC_013380	XLOC_013380	RESP18	chr2:220192130-220197899	0	1

XLOC_013383	XLOC_013383	MIR3132	chr2:220408744-220415317	0	1
XLOC_013385	XLOC_013385	MIR4268	chr2:220771222-220771286	0	1
XLOC_013387	XLOC_013387	PAX3	chr2:223064605-223169936	0	1
XLOC_013395	XLOC_013395	DOCK10	chr2:225629806-225907330	0	1
XLOC_013396	XLOC_013396	MIR4439	chr2:225629806-225907330	0	1
XLOC_013397	XLOC_013397	MIR5702	chr2:227523425-227523509	0	1
XLOC_013401	XLOC_013401	C2orf83	chr2:228474805-228498036	0	1
XLOC_013403	XLOC_013403	SPHKAP	chr2:228844669-229046361	0	1
XLOC_013404	XLOC_013404	PID1	chr2:229888688-230136057	0	1
XLOC_013405	XLOC_013405	DNER	chr2:230222344-230579286	0	1
XLOC_013415	XLOC_013415	SNORD20	chr2:232319458-232329205	0	1
XLOC_013416	XLOC_013416	SNORD82	chr2:232319458-232329205	0	1
XLOC_013420	XLOC_013420	MIR1471	chr2:232756951-232757008	0	1
XLOC_013421	XLOC_013421	NPPC	chr2:232786804-232791038	0	1
XLOC_013422	XLOC_013422	ECEL1P2	chr2:233250459-233251754	0	1
XLOC_013423	XLOC_013423	ECEL1	chr2:233344536-233352532	0	1
XLOC_013428	XLOC_013428	DNAJB3	chr2:234526290-234681951	0	1
XLOC_013429	XLOC_013429	LOC100286922	chr2:234526290-234681951	0	1
XLOC_013433	XLOC_013433	GBX2	chr2:237074306-237076652	0	1
XLOC_013434	XLOC_013434	ASB18	chr2:237103514-237172988	0	1
XLOC_013435	XLOC_013435	IQCA1	chr2:237232789-237416178	0	1
XLOC_013439	XLOC_013439	LOC1511174	chr2:239133753-239140318	0	1
XLOC_013443	XLOC_013443	FLJ43879	chr2:239840997-239847965	0	1
XLOC_013446	XLOC_013446	MIR4441	chr2:239969863-240322643	0	1
XLOC_013448	XLOC_013448	MIR2467	chr2:239969863-240322643	0	1
XLOC_013449	XLOC_013449	MIR4786	chr2:240882431-240882511	0	1
XLOC_013451	XLOC_013451	OR6B2	chr2:240968907-240969846	0	1
XLOC_013452	XLOC_013452	PRR21	chr2:240981229-240982399	0	1
XLOC_013453	XLOC_013453	OR6B3	chr2:240984493-240985489	0	1
XLOC_013458	XLOC_013458	AQP12B	chr2:241615834-241622317	0	1
XLOC_013459	XLOC_013459	KIF1A	chr2:241653180-241759725	0	1
XLOC_013461	XLOC_013461	LOC200772	chr2:241894035-241906868	0	1
XLOC_013470	XLOC_013470	DEFB125	chr20:68350-77296	0	1
XLOC_013471	XLOC_013471	DEFB126	chr20:123251-126392	0	1
XLOC_013472	XLOC_013472	DEFB127	chr20:138110-139804	0	1
XLOC_013473	XLOC_013473	DEFB129	chr20:207898-210527	0	1
XLOC_013474	XLOC_013474	DEFB132	chr20:238376-241736	0	1
XLOC_013488	XLOC_013488	TGM3	chr20:2276612-2321725	0	1
XLOC_013489	XLOC_013489	TGM6	chr20:2361553-2413399	0	1
XLOC_013493	XLOC_013493	SNORA51	chr20:2633177-2639039	0	1
XLOC_013494	XLOC_013494	SNORD56	chr20:2633177-2639039	0	1
XLOC_013495	XLOC_013495	SNORD57	chr20:2633177-2639039	0	1
XLOC_013497	XLOC_013497	C20orf141	chr20:2795632-2796476	0	1
XLOC_013498	XLOC_013498	TMEM239	chr20:2796975-2797804	0	1
XLOC_013511	XLOC_013511	MIR103A2	chr20:3869485-3904502	0	1
XLOC_013515	XLOC_013515	PRND	chr20:4702555-4709106	0	1
XLOC_013524	XLOC_013524	PLCB1	chr20:8113295-8865547	0	1
XLOC_013526	XLOC_013526	LAMP5	chr20:9495004-9511171	0	1
XLOC_013527	XLOC_013527	ANKF1	chr20:10004459-10288066	0	1
XLOC_013531	XLOC_013531	SPTLC3	chr20:12989626-13147411	0	1
XLOC_013539	XLOC_013539	BANF2	chr20:17674319-17716517	0	1
XLOC_013543	XLOC_013543	LINC00851	chr20:18359692-18362127	0	1
XLOC_013545	XLOC_013545	MIR3192	chr20:18448032-18465286	0	1
XLOC_013550	XLOC_013550	SCP2D1	chr20:18790371-18810839	0	1
XLOC_013558	XLOC_013558	PAX1	chr20:21686296-21699124	0	1
XLOC_013559	XLOC_013559	LOC100270679	chr20:22034727-22055292	0	1
XLOC_013560	XLOC_013560	SSTR4	chr20:23016056-23017314	0	1
XLOC_013563	XLOC_013563	CSTL1	chr20:23420321-23425567	0	1
XLOC_013564	XLOC_013564	CST8	chr20:23471765-23476655	0	1
XLOC_013565	XLOC_013565	CST13P	chr20:23499782-23522655	0	1
XLOC_013566	XLOC_013566	FLJ33581	chr20:24180402-24205224	0	1
XLOC_013567	XLOC_013567	SYNDIG1	chr20:24449834-24647167	0	1
XLOC_013575	XLOC_013575	DEFB115	chr20:29845466-29847435	0	1
XLOC_013576	XLOC_013576	DEFB118	chr20:29956420-29961705	0	1
XLOC_013577	XLOC_013577	DEFB123	chr20:30028410-30038060	0	1
XLOC_013578	XLOC_013578	REM1	chr20:30063104-30072708	0	1
XLOC_013579	XLOC_013579	LINC00028	chr20:30073580-30075377	0	1
XLOC_013583	XLOC_013583	MIR3193	chr20:30194988-30195043	0	1
XLOC_013584	XLOC_013584	COX4I2	chr20:30225690-30232800	0	1
XLOC_013587	XLOC_013587	TTLL9	chr20:30458504-30530858	0	1
XLOC_013588	XLOC_013588	XKR7	chr20:30555804-30586256	0	1
XLOC_013595	XLOC_013595	LOC149950	chr20:31175280-31196694	0	1
XLOC_013598	XLOC_013598	BPIFB2	chr20:31595383-31611515	0	1
XLOC_013599	XLOC_013599	BPIFB6	chr20:31619453-31631853	0	1
XLOC_013600	XLOC_013600	BPIFB3	chr20:31643229-31661434	0	1
XLOC_013601	XLOC_013601	BPIFB4	chr20:31669317-31699557	0	1
XLOC_013602	XLOC_013602	BPIFA2	chr20:31755959-31769223	0	1
XLOC_013603	XLOC_013603	BPIFA4P	chr20:31781410-31798268	0	1
XLOC_013604	XLOC_013604	BPIFA3	chr20:31805134-31815559	0	1

XLOC_013605	XLOC_013605	BPIFA1	chr20:31823801-31831115	0	1
XLOC_013606	XLOC_013606	BPIFB1	chr20:31870940-31897684	0	1
XLOC_013613	XLOC_013613	MIR4755	chr20:32581457-32670991	0	1
XLOC_013616	XLOC_013616	MIR644A	chr20:32951040-33099198	0	1
XLOC_013622	XLOC_013622	MIR499A	chr20:33543703-33680618	0	1
XLOC_013645	XLOC_013645	BPI	chr20:36932551-36965905	0	1
XLOC_013649	XLOC_013649	SNORA60	chr20:37075296-37079564	0	1
XLOC_013651	XLOC_013651	ADIG	chr20:37209837-37217104	0	1
XLOC_013655	XLOC_013655	PPP1R16B	chr20:37434347-37551667	0	1
XLOC_013669	XLOC_013669	R3HDML	chr20:42965625-42979875	0	1
XLOC_013671	XLOC_013671	MIR3646	chr20:42984440-43061485	0	1
XLOC_013680	XLOC_013680	SEMG1	chr20:43835637-43838414	0	1
XLOC_013681	XLOC_013681	SEMG2	chr20:43850009-43853099	0	1
XLOC_013688	XLOC_013688	SPINT4	chr20:44350987-44354335	0	1
XLOC_013696	XLOC_013696	MMP9	chr20:44637546-44645200	0	1
XLOC_013700	XLOC_013700	EYA2	chr20:45523262-45817492	0	1
XLOC_013701	XLOC_013701	MIR3616	chr20:45523262-45817492	0	1
XLOC_013709	XLOC_013709	SNORD12C	chr20:47862438-47905795	0	1
XLOC_013710	XLOC_013710	SNORD12B	chr20:47862438-47905795	0	1
XLOC_013711	XLOC_013711	SNORD12	chr20:47862438-47905795	0	1
XLOC_013718	XLOC_013718	MIR645	chr20:49202322-49202416	0	1
XLOC_013722	XLOC_013722	TSHZ2	chr20:51588945-52111869	0	1
XLOC_013724	XLOC_013724	DOK5	chr20:53092265-53267710	0	1
XLOC_013725	XLOC_013725	MC3R	chr20:54823787-54824871	0	1
XLOC_013733	XLOC_013733	SPO11	chr20:55904830-55998278	0	1
XLOC_013734	XLOC_013734	MIR5095	chr20:55904830-55998278	0	1
XLOC_013737	XLOC_013737	PCK1	chr20:56136136-56141513	0	1
XLOC_013738	XLOC_013738	MIR4532	chr20:56470449-56470500	0	1
XLOC_013739	XLOC_013739	C20orf85	chr20:56725982-56736183	0	1
XLOC_013747	XLOC_013747	ZNF831	chr20:57766074-57834167	0	1
XLOC_013748	XLOC_013748	EDN3	chr20:57875498-57901047	0	1
XLOC_013749	XLOC_013749	PHACTR3	chr20:58152563-58422766	0	1
XLOC_013752	XLOC_013752	C20orf197	chr20:58630979-58648008	0	1
XLOC_013754	XLOC_013754	MIR4533	chr20:59053168-59053239	0	1
XLOC_013762	XLOC_013762	C20orf166	chr20:61141437-61167971	0	1
XLOC_013763	XLOC_013763	MIR1-1	chr20:61141437-61167971	0	1
XLOC_013774	XLOC_013774	HAR1A	chr20:61726844-61735737	0	1
XLOC_013775	XLOC_013775	MIR124-3	chr20:61809851-61809938	0	1
XLOC_013777	XLOC_013777	MIR3196	chr20:61867275-61871854	0	1
XLOC_013778	XLOC_013778	FLJ16779	chr20:61872135-61892967	0	1
XLOC_013780	XLOC_013780	MIR4326	chr20:61904164-61921142	0	1
XLOC_013791	XLOC_013791	MIR941-1,MIR941-3,MIR941-4	chr20:62526454-62567384	0	1
XLOC_013792	XLOC_013792	MIR941-2,MIR941-3,MIR941-4	chr20:62526454-62567384	0	1
XLOC_013801	XLOC_013801	DEFB128	chr20:168526-170264	0	1
XLOC_013805	XLOC_013805	TCF15	chr20:584636-590910	0	1
XLOC_013807	XLOC_013807	SCRT2	chr20:642239-656823	0	1
XLOC_013814	XLOC_013814	SIRPB2	chr20:1455235-1472233	0	1
XLOC_013815	XLOC_013815	SIRPD	chr20:1514896-1538343	0	1
XLOC_013816	XLOC_013816	SIRPB1	chr20:1545028-1600689	0	1
XLOC_013817	XLOC_013817	SIRPG	chr20:1609797-1638425	0	1
XLOC_013818	XLOC_013818	LOC100289473	chr20:1754010-1760392	0	1
XLOC_013819	XLOC_013819	PDYN	chr20:1959401-1974931	0	1
XLOC_013821	XLOC_013821	SNORD119	chr20:2442280-2451499	0	1
XLOC_013824	XLOC_013824	CPXM1	chr20:2774714-2781292	0	1
XLOC_013826	XLOC_013826	AVP	chr20:3063201-3065370	0	1
XLOC_013831	XLOC_013831	C20orf194	chr20:3229947-3388309	0	1
XLOC_013833	XLOC_013833	ADAM33	chr20:3648619-3662738	0	1
XLOC_013838	XLOC_013838	MIR103B2	chr20:3869485-3904502	0	1
XLOC_013840	XLOC_013840	ADRA1D	chr20:4201277-4229659	0	1
XLOC_013841	XLOC_013841	PRNT	chr20:4711927-4721314	0	1
XLOC_013846	XLOC_013846	PROKR2	chr20:5282685-5295510	0	1
XLOC_013853	XLOC_013853	HAO1	chr20:7863630-7921093	0	1
XLOC_013855	XLOC_013855	PAK7	chr20:9518036-9819687	0	1
XLOC_013856	XLOC_013856	SNAP25-AS1	chr20:10004459-10288066	0	1
XLOC_013859	XLOC_013859	LOC339593	chr20:11247306-11254031	0	1
XLOC_013860	XLOC_013860	ISM1-AS1	chr20:13202417-13281297	0	1
XLOC_013863	XLOC_013863	SEL1L2	chr20:13830043-13975979	0	1
XLOC_013864	XLOC_013864	FLRT3	chr20:13976145-16033841	0	1
XLOC_013865	XLOC_013865	MACROD2-AS1	chr20:13976145-16033841	0	1
XLOC_013875	XLOC_013875	C20orf78	chr20:18790371-18810839	0	1
XLOC_013876	XLOC_013876	LOC100130264	chr20:19193289-19703541	0	1
XLOC_013879	XLOC_013879	NKX2-4	chr20:21376004-21378047	0	1
XLOC_013880	XLOC_013880	NKX2-2	chr20:21491659-21494664	0	1
XLOC_013881	XLOC_013881	LOC284788	chr20:22380970-22401281	0	1
XLOC_013882	XLOC_013882	LINC00261	chr20:22541191-22559280	0	1
XLOC_013883	XLOC_013883	FOXA2	chr20:22561641-22566101	0	1
XLOC_013884	XLOC_013884	THBD	chr20:23026269-23030301	0	1
XLOC_013886	XLOC_013886	LINC00656	chr20:23105704-23113273	0	1
XLOC_013888	XLOC_013888	CST11	chr20:23431040-23433482	0	1

XLOC_013889	XLOC_013889	CST9L	chr20:23545369-23549386	0	1
XLOC_013890	XLOC_013890	CST9	chr20:23583046-23586610	0	1
XLOC_013892	XLOC_013892	CST4	chr20:23666276-23669662	0	1
XLOC_013893	XLOC_013893	CST1	chr20:23728189-23731574	0	1
XLOC_013894	XLOC_013894	CST2	chr20:23804403-23807312	0	1
XLOC_013895	XLOC_013895	CST5	chr20:23856571-23860380	0	1
XLOC_013899	XLOC_013899	VSX1	chr20:25051520-25063015	0	1
XLOC_013900	XLOC_013900	LOC284798	chr20:25121433-25129426	0	1
XLOC_013910	XLOC_013910	DEFB116	chr20:29891014-29896388	0	1
XLOC_013911	XLOC_013911	DEFB119	chr20:29964965-29978452	0	1
XLOC_013912	XLOC_013912	DEFB121	chr20:29992647-30000641	0	1
XLOC_013913	XLOC_013913	DEFB122	chr20:30009241-30016983	0	1
XLOC_013914	XLOC_013914	DEFB124	chr20:30053308-30060816	0	1
XLOC_013925	XLOC_013925	SUN5	chr20:31571580-31592239	0	1
XLOC_013936	XLOC_013936	GGT7	chr20:33432522-33460661	0	1
XLOC_013938	XLOC_013938	MIR499B	chr20:33543703-33680618	0	1
XLOC_013945	XLOC_013945	C20orf173	chr20:34108569-34117481	0	1
XLOC_013960	XLOC_013960	LINC00489	chr20:36247699-36251521	0	1
XLOC_013969	XLOC_013969	LOC339568	chr20:37842423-37853391	0	1
XLOC_013974	XLOC_013974	PTPRT	chr20:40701391-41818557	0	1
XLOC_013987	XLOC_013987	WFDC12	chr20:43752066-43753106	0	1
XLOC_013988	XLOC_013988	SLPI	chr20:43880878-43883206	0	1
XLOC_013992	XLOC_013992	SPINT3	chr20:44141100-44144264	0	1
XLOC_013993	XLOC_013993	EPPIN,EPPIN-WFDC6,WFDC6	chr20:44162835-44176065	0	1
XLOC_013994	XLOC_013994	WFDC8	chr20:44179790-44207965	0	1
XLOC_013995	XLOC_013995	WFDC9	chr20:44236577-44259907	0	1
XLOC_013996	XLOC_013996	WFDC11	chr20:44277201-44298878	0	1
XLOC_014006	XLOC_014006	CDH22	chr20:44802371-44937137	0	1
XLOC_014009	XLOC_014009	ZNF663	chr20:45085131-45086282	0	1
XLOC_014010	XLOC_014010	MKRN7P	chr20:45092298-45093931	0	1
XLOC_014011	XLOC_014011	ZNF334	chr20:45128268-45142198	0	1
XLOC_014012	XLOC_014012	OCSTAMP	chr20:45169669-45179213	0	1
XLOC_014019	XLOC_014019	KCNB1	chr20:47988504-48099181	0	1
XLOC_014023	XLOC_014023	LINC00651	chr20:48657243-48658166	0	1
XLOC_014028	XLOC_014028	KCNG1	chr20:49620192-49639675	0	1
XLOC_014030	XLOC_014030	MIR3194	chr20:50003493-50179370	0	1
XLOC_014032	XLOC_014032	SALL4	chr20:50400582-50419048	0	1
XLOC_014035	XLOC_014035	SUMO1P1	chr20:52491039-52492248	0	1
XLOC_014037	XLOC_014037	MIR4756	chr20:52560078-52687304	0	1
XLOC_014038	XLOC_014038	CYP24A1	chr20:52769987-52790516	0	1
XLOC_014039	XLOC_014039	CBLN4	chr20:54572412-54580528	0	1
XLOC_014043	XLOC_014043	MIR4325	chr20:55896557-55896647	0	1
XLOC_014045	XLOC_014045	CTCFL	chr20:56071020-56100708	0	1
XLOC_014046	XLOC_014046	ZBP1	chr20:56178901-56195632	0	1
XLOC_014049	XLOC_014049	APCDD1L	chr20:57034425-57089949	0	1
XLOC_014050	XLOC_014050	MIR296	chr20:57392669-57392749	0	1
XLOC_014051	XLOC_014051	MIR298	chr20:57393280-57393368	0	1
XLOC_014052	XLOC_014052	GNAS-AS1	chr20:57393972-57486250	0	1
XLOC_014055	XLOC_014055	LOC100506384	chr20:58152563-58422766	0	1
XLOC_014058	XLOC_014058	MIR1257	chr20:60528601-60528718	0	1
XLOC_014061	XLOC_014061	HRH3	chr20:60790016-60795323	0	1
XLOC_014064	XLOC_014064	RBBP8NL	chr20:60985292-61002629	0	1
XLOC_014065	XLOC_014065	GATA5	chr20:61038552-61051026	0	1
XLOC_014066	XLOC_014066	C20orf166-AS1	chr20:61141437-61167971	0	1
XLOC_014071	XLOC_014071	BHLHE23	chr20:61637330-61638387	0	1
XLOC_014073	XLOC_014073	HAR1B	chr20:61726844-61735737	0	1
XLOC_014075	XLOC_014075	NKAIN4	chr20:61872135-61892967	0	1
XLOC_014076	XLOC_014076	CHRNA4	chr20:61974661-61992748	0	1
XLOC_014087	XLOC_014087	MIR1914	chr20:62571181-62601223	0	1
XLOC_014088	XLOC_014088	MIR647	chr20:62571181-62601223	0	1
XLOC_014091	XLOC_014091	SOX18	chr20:62679078-62680979	0	1
XLOC_014093	XLOC_014093	C20orf201	chr20:62711470-62731996	0	1
XLOC_014094	XLOC_014094	NPBWR2	chr20:62737182-62738184	0	1
XLOC_014096	XLOC_014096	MIR3687	chr21:9826202-9826263	0	1
XLOC_014098	XLOC_014098	POTED	chr21:14982497-15013906	0	1
XLOC_014099	XLOC_014099	RBM11	chr21:15588465-15600693	0	1
XLOC_014101	XLOC_014101	SAMS1-AS1	chr21:15857548-16015428	0	1
XLOC_014103	XLOC_014103	LINC00478	chr21:17442841-17982094	0	1
XLOC_014104	XLOC_014104	MIR99A	chr21:17442841-17982094	0	1
XLOC_014105	XLOC_014105	MIRLET7C	chr21:17442841-17982094	0	1
XLOC_014106	XLOC_014106	MIR125B2	chr21:17442841-17982094	0	1
XLOC_014107	XLOC_014107	C21orf37	chr21:18811207-18821503	0	1
XLOC_014110	XLOC_014110	NCAM2	chr21:22370632-22912517	0	1
XLOC_014111	XLOC_014111	RNU6-67	chr21:22370632-22912517	0	1
XLOC_014112	XLOC_014112	LINC00308	chr21:23470935-23488847	0	1
XLOC_014113	XLOC_014113	LOC339622	chr21:26212863-26430056	0	1
XLOC_014117	XLOC_014117	MIR4759	chr21:28290230-28339439	0	1
XLOC_014118	XLOC_014118	LINC00113	chr21:28659821-29283529	0	1
XLOC_014119	XLOC_014119	LINC00314	chr21:29385681-29395528	0	1

XLOC_014127	XLOC_014127	KRTAP13-1	chr21:31768391-31769138	0	1
XLOC_014128	XLOC_014128	KRTAP13-4	chr21:31802593-31803076	0	1
XLOC_014129	XLOC_014129	KRTAP15-1	chr21:31812645-31813098	0	1
XLOC_014130	XLOC_014130	KRTAP6-3	chr21:31964758-31965374	0	1
XLOC_014131	XLOC_014131	KRTAP22-1	chr21:31973439-31973586	0	1
XLOC_014132	XLOC_014132	KRTAP20-1	chr21:31988773-31988944	0	1
XLOC_014133	XLOC_014133	KRTAP20-4	chr21:31992945-31993169	0	1
XLOC_014134	XLOC_014134	KRTAP20-2	chr21:32007582-32007780	0	1
XLOC_014135	XLOC_014135	KRTAP20-3	chr21:32015182-32015455	0	1
XLOC_014143	XLOC_014143	OLIG2	chr21:34398215-34401503	0	1
XLOC_014144	XLOC_014144	OLIG1	chr21:34442449-34444728	0	1
XLOC_014156	XLOC_014156	CLIC6	chr21:36041687-36090519	0	1
XLOC_014158	XLOC_014158	MIR802	chr21:37093012-37093106	0	1
XLOC_014170	XLOC_014170	DSCR10	chr21:39578249-39580738	0	1
XLOC_014173	XLOC_014173	BRWD1-AS1	chr21:40687632-40695144	0	1
XLOC_014178	XLOC_014178	PCP4	chr21:41239346-41301322	0	1
XLOC_014179	XLOC_014179	DSCAM-AS1	chr21:41384342-42219039	0	1
XLOC_014180	XLOC_014180	MIR3197	chr21:42539483-42539556	0	1
XLOC_014185	XLOC_014185	LINC00111	chr21:43099461-43117496	0	1
XLOC_014186	XLOC_014186	LINC00112	chr21:43136595-43137742	0	1
XLOC_014188	XLOC_014188	UMODL1	chr21:43483067-43563105	0	1
XLOC_014190	XLOC_014190	UBASH3A	chr21:43823970-43867790	0	1
XLOC_014192	XLOC_014192	PDE9A	chr21:44073861-44195618	0	1
XLOC_014195	XLOC_014195	CRYAA	chr21:44589140-44592913	0	1
XLOC_014204	XLOC_014204	AIRE	chr21:45705720-45718102	0	1
XLOC_014206	XLOC_014206	TRPM2	chr21:45773483-45862964	0	1
XLOC_014209	XLOC_014209	KRTAP10-4	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014210	XLOC_014210	KRTAP10-7	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014211	XLOC_014211	KRTAP10-8	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014212	XLOC_014212	KRTAP10-9	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014213	XLOC_014213	KRTAP10-10	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014214	XLOC_014214	KRTAP10-11	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014215	XLOC_014215	KRTAP12-3	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014216	XLOC_014216	KRTAP10-12	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014232	XLOC_014232	TPTE	chr21:10906742-10990920	0	1
XLOC_014233	XLOC_014233	BAGE,BAGE3,BAGE4,BAGE5	chr21:11020841-11098937	0	1
XLOC_014234	XLOC_014234	MIR3156-3	chr21:14778704-14778781	0	1
XLOC_014236	XLOC_014236	ANKRD20A11P	chr21:15316095-15352765	0	1
XLOC_014237	XLOC_014237	LIPI	chr21:15481134-15579254	0	1
XLOC_014239	XLOC_014239	SAMSN1	chr21:15857548-16015428	0	1
XLOC_014240	XLOC_014240	LOC388813	chr21:15857548-16015428	0	1
XLOC_014244	XLOC_014244	CHODL-AS1	chr21:19207988-19257925	0	1
XLOC_014245	XLOC_014245	TMPRSS15	chr21:19641432-19775970	0	1
XLOC_014246	XLOC_014246	LINC00320	chr21:22114912-22175426	0	1
XLOC_014247	XLOC_014247	LINC00317	chr21:23095612-23109639	0	1
XLOC_014248	XLOC_014248	D21S2088E	chr21:24733425-24751156	0	1
XLOC_014254	XLOC_014254	CYYR1	chr21:27838527-27945581	0	1
XLOC_014255	XLOC_014255	ADAMTS1	chr21:28208605-28217728	0	1
XLOC_014257	XLOC_014257	MIR5009	chr21:28659821-29283529	0	1
XLOC_014263	XLOC_014263	CLDN17	chr21:31538240-31538971	0	1
XLOC_014264	XLOC_014264	LINC00307	chr21:31581468-31584101	0	1
XLOC_014265	XLOC_014265	CLDN8	chr21:31586323-31588469	0	1
XLOC_014266	XLOC_014266	KRTAP24-1	chr21:31653626-31655276	0	1
XLOC_014267	XLOC_014267	KRTAP25-1	chr21:31661462-31661832	0	1
XLOC_014268	XLOC_014268	KRTAP26-1	chr21:31691449-31692607	0	1
XLOC_014269	XLOC_014269	KRTAP27-1	chr21:31709330-31710012	0	1
XLOC_014270	XLOC_014270	KRTAP23-1	chr21:31720716-31720924	0	1
XLOC_014271	XLOC_014271	KRTAP13-2	chr21:31743708-31744557	0	1
XLOC_014272	XLOC_014272	MIR4327	chr21:31747611-31747696	0	1
XLOC_014273	XLOC_014273	KRTAP13-3	chr21:31797710-31798230	0	1
XLOC_014274	XLOC_014274	KRTAP19-1	chr21:31852363-31852636	0	1
XLOC_014275	XLOC_014275	KRTAP19-2	chr21:31859508-31859667	0	1
XLOC_014276	XLOC_014276	KRTAP19-3	chr21:31863781-31864275	0	1
XLOC_014277	XLOC_014277	KRTAP19-4	chr21:31869173-31869428	0	1
XLOC_014278	XLOC_014278	KRTAP19-5	chr21:31874189-31874408	0	1
XLOC_014279	XLOC_014279	KRTAP19-6	chr21:31913853-31914181	0	1
XLOC_014280	XLOC_014280	KRTAP19-7	chr21:31933416-31933608	0	1
XLOC_014281	XLOC_014281	KRTAP22-2	chr21:31962423-31962716	0	1
XLOC_014282	XLOC_014282	KRTAP6-2	chr21:31971004-31971193	0	1
XLOC_014283	XLOC_014283	KRTAP6-1	chr21:31986004-31986223	0	1
XLOC_014284	XLOC_014284	KRTAP21-3	chr21:32090842-32091095	0	1
XLOC_014285	XLOC_014285	KRTAP21-2	chr21:32119268-32119520	0	1
XLOC_014286	XLOC_014286	KRTAP21-1	chr21:32127456-32127696	0	1
XLOC_014287	XLOC_014287	KRTAP8-1	chr21:32185014-32185570	0	1
XLOC_014288	XLOC_014288	KRTAP7-1	chr21:32201357-32202051	0	1
XLOC_014289	XLOC_014289	KRTAP11-1	chr21:32252963-32253874	0	1
XLOC_014290	XLOC_014290	KRTAP19-8	chr21:32410477-32410795	0	1
XLOC_014293	XLOC_014293	LINC00159	chr21:33452793-33458608	0	1
XLOC_014302	XLOC_014302	C21orf54	chr21:34537775-34542541	0	1

XLOC_014312	XLOC_014312	LINC00160	chr21:36096104-36109479	0	1
XLOC_014315	XLOC_014315	LOC100506403	chr21:36744804-36953062	0	1
XLOC_014323	XLOC_014323	KCNJ6	chr21:38996784-39288741	0	1
XLOC_014324	XLOC_014324	DSCR4	chr21:39426312-39493454	0	1
XLOC_014325	XLOC_014325	ERG	chr21:39739182-40033704	0	1
XLOC_014326	XLOC_014326	LINC00114	chr21:40110878-40145401	0	1
XLOC_014332	XLOC_014332	C21orf88	chr21:40969074-40984749	0	1
XLOC_014333	XLOC_014333	DSCAM	chr21:41384342-42219039	0	1
XLOC_014334	XLOC_014334	MIR4760	chr21:41384342-42219039	0	1
XLOC_014335	XLOC_014335	DSCAM-IT1	chr21:41384342-42219039	0	1
XLOC_014336	XLOC_014336	LINC00323	chr21:42513426-42519991	0	1
XLOC_014338	XLOC_014338	TMPRSS2	chr21:42836477-42880085	0	1
XLOC_014344	XLOC_014344	C21orf128	chr21:43483067-43563105	0	1
XLOC_014345	XLOC_014345	TFF3	chr21:43731776-43735706	0	1
XLOC_014346	XLOC_014346	TFF2	chr21:43766466-43771208	0	1
XLOC_014347	XLOC_014347	TFF1	chr21:43782390-43786644	0	1
XLOC_014348	XLOC_014348	TMPRSS3	chr21:43791995-43816955	0	1
XLOC_014365	XLOC_014365	KRTAP10-3	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014366	XLOC_014366	KRTAP10-5	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014367	XLOC_014367	KRTAP10-6	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014368	XLOC_014368	KRTAP12-4	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014369	XLOC_014369	KRTAP12-2	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014370	XLOC_014370	KRTAP12-1	chr21:45917774-46131495	0	1
XLOC_014383	XLOC_014383	LOC100129027	chr21:47247754-47256333	0	1
XLOC_014389	XLOC_014389	S100B	chr21:48018530-48025035	0	1
XLOC_014391	XLOC_014391	TPTEP1	chr22:17082800-17129720	0	1
XLOC_014392	XLOC_014392	HSFY1P1	chr22:17308363-17310225	0	1
XLOC_014399	XLOC_014399	FLJ41941	chr22:18512150-18520734	0	1
XLOC_014414	XLOC_014414	MIR185	chr22:20008630-20053447	0	1
XLOC_014423	XLOC_014423	POM121L4P	chr22:21043842-21046009	0	1
XLOC_014441	XLOC_014441	MIR301B	chr22:22007269-22007347	0	1
XLOC_014442	XLOC_014442	MIR130B	chr22:22007592-22007674	0	1
XLOC_014444	XLOC_014444	VPREB1	chr22:22599199-22599926	0	1
XLOC_014448	XLOC_014448	MIR650	chr22:23165269-23165365	0	1
XLOC_014449	XLOC_014449	IGLL5	chr22:23229959-23238013	0	1
XLOC_014455	XLOC_014455	C22orf15	chr22:24105207-24110141	0	1
XLOC_014472	XLOC_014472	TOP1P2	chr22:25115000-25170687	0	1
XLOC_014477	XLOC_014477	IGLL3P	chr22:25714223-25716193	0	1
XLOC_014481	XLOC_014481	SEZ6L	chr22:26565439-26779563	0	1
XLOC_014487	XLOC_014487	MIR3199-2	chr22:28315363-29075853	0	1
XLOC_014501	XLOC_014501	HORMAD2	chr22:30476452-30573062	0	1
XLOC_014508	XLOC_014508	MIR3200	chr22:31090792-31303811	0	1
XLOC_014520	XLOC_014520	AP1B1P1	chr22:32517963-32529456	0	1
XLOC_014524	XLOC_014524	TIMP3	chr22:32908539-33454377	0	1
XLOC_014526	XLOC_014526	ISX	chr22:35462129-35483380	0	1
XLOC_014529	XLOC_014529	MIR3909	chr22:35695267-35743987	0	1
XLOC_014534	XLOC_014534	APOL5	chr22:36113918-36125529	0	1
XLOC_014538	XLOC_014538	LOC100506241	chr22:37361288-37364213	0	1
XLOC_014555	XLOC_014555	MIR4534	chr22:38384800-38384860	0	1
XLOC_014568	XLOC_014568	SYNGR1	chr22:39745953-39781593	0	1
XLOC_014580	XLOC_014580	MCHR1	chr22:41075181-41078818	0	1
XLOC_014583	XLOC_014583	MIR1281	chr22:41488516-41488570	0	1
XLOC_014595	XLOC_014595	MIR33A	chr22:42229105-42302375	0	1
XLOC_014608	XLOC_014608	MPPED1	chr22:43808019-43902800	0	1
XLOC_014609	XLOC_014609	EFCAB6-AS1	chr22:43912133-44208217	0	1
XLOC_014614	XLOC_014614	LINC00207	chr22:44965219-44968329	0	1
XLOC_014617	XLOC_014617	UPK3A	chr22:45680867-45691755	0	1
XLOC_014620	XLOC_014620	FBLN1	chr22:45898718-45997014	0	1
XLOC_014622	XLOC_014622	MIR4762	chr22:46067677-46241187	0	1
XLOC_014626	XLOC_014626	MIR3619	chr22:46481876-46509808	0	1
XLOC_014633	XLOC_014633	MIR3201	chr22:48670175-48670227	0	1
XLOC_014634	XLOC_014634	FAM19A5	chr22:48885287-49147744	0	1
XLOC_014635	XLOC_014635	MIR4535	chr22:49176106-49176165	0	1
XLOC_014636	XLOC_014636	LOC100128946	chr22:49262581-49294198	0	1
XLOC_014641	XLOC_014641	PANX2	chr22:50609159-50618724	0	1
XLOC_014646	XLOC_014646	MIOX	chr22:50925212-50928750	0	1
XLOC_014654	XLOC_014654	POTEH	chr22:16256331-16287937	0	1
XLOC_014655	XLOC_014655	OR11H1	chr22:16448823-16449804	0	1
XLOC_014656	XLOC_014656	CCT8L2	chr22:17071647-17073700	0	1
XLOC_014659	XLOC_014659	GAB4	chr22:17442826-17489112	0	1
XLOC_014663	XLOC_014663	CECR3	chr22:17737749-17747623	0	1
XLOC_014666	XLOC_014666	MIR3198-1	chr22:18216905-18257431	0	1
XLOC_014673	XLOC_014673	GSC2	chr22:19136503-19137796	0	1
XLOC_014680	XLOC_014680	LOC150185	chr22:19553652-19554362	0	1
XLOC_014685	XLOC_014685	LOC388849	chr22:20136108-20137431	0	1
XLOC_014688	XLOC_014688	MIR1286	chr22:20228937-20255816	0	1
XLOC_014697	XLOC_014697	SLC7A4	chr22:21383006-21386847	0	1
XLOC_014698	XLOC_014698	P2RX6P	chr22:21396680-21398538	0	1
XLOC_014706	XLOC_014706	ZNF280B	chr22:22838771-22863505	0	1

XLOC_014713	XLOC_014713	IGLL1	chr22:23915312-23922495	0	1
XLOC_014726	XLOC_014726	GGT5	chr22:24615621-24641110	0	1
XLOC_014731	XLOC_014731	PIWIL3	chr22:25115000-25170687	0	1
XLOC_014738	XLOC_014738	MIR548J	chr22:26921713-26986089	0	1
XLOC_014739	XLOC_014739	CRYBB1	chr22:26995361-27013991	0	1
XLOC_014742	XLOC_014742	MIR3199-1	chr22:28315363-29075853	0	1
XLOC_014747	XLOC_014747	C22orf31	chr22:29454659-29457907	0	1
XLOC_014751	XLOC_014751	MIR3653	chr22:29723668-29784572	0	1
XLOC_014767	XLOC_014767	SEC14L6	chr22:30920916-30942669	0	1
XLOC_014774	XLOC_014774	MIR3928	chr22:31556047-31556105	0	1
XLOC_014781	XLOC_014781	C22orf42	chr22:32545518-32555243	0	1
XLOC_014786	XLOC_014786	BPIFC	chr22:32809833-32853373	0	1
XLOC_014789	XLOC_014789	MIR4764	chr22:33669061-34316416	0	1
XLOC_014790	XLOC_014790	MB	chr22:36002810-36019401	0	1
XLOC_014792	XLOC_014792	APOL3	chr22:36536370-36562225	0	1
XLOC_014799	XLOC_014799	CACNG2	chr22:36956915-37098690	0	1
XLOC_014801	XLOC_014801	PVALB	chr22:37196744-37215517	0	1
XLOC_014802	XLOC_014802	TEX33	chr22:37387159-37403877	0	1
XLOC_014805	XLOC_014805	IL2RB	chr22:37521879-37545962	0	1
XLOC_014807	XLOC_014807	SSTR3	chr22:37602244-37608353	0	1
XLOC_014809	XLOC_014809	ELFN2	chr22:37763999-37823505	0	1
XLOC_014812	XLOC_014812	LGALS2	chr22:37966252-37976024	0	1
XLOC_014814	XLOC_014814	MIR659	chr22:38243684-38243781	0	1
XLOC_014836	XLOC_014836	SNORD83A	chr22:39708886-39715670	0	1
XLOC_014837	XLOC_014837	RNU86	chr22:39708886-39715670	0	1
XLOC_014838	XLOC_014838	SNORD43	chr22:39708886-39715670	0	1
XLOC_014840	XLOC_014840	ENTHD1	chr22:40139048-40289794	0	1
XLOC_014843	XLOC_014843	MIR4766	chr22:41165638-41215392	0	1
XLOC_014876	XLOC_014876	SULT4A1	chr22:44220386-44258378	0	1
XLOC_014877	XLOC_014877	PNPLA5	chr22:44275557-44287893	0	1
XLOC_014880	XLOC_014880	LINC00229	chr22:45002207-45021299	0	1
XLOC_014881	XLOC_014881	PHF21B	chr22:45277042-45405809	0	1
XLOC_014884	XLOC_014884	MIR1249	chr22:45588122-45636650	0	1
XLOC_014894	XLOC_014894	FLJ46257	chr22:48016791-48027318	0	1
XLOC_014895	XLOC_014895	LOC284933	chr22:48885287-49147744	0	1
XLOC_014915	XLOC_014915	CHL1	chr3:238278-451097	0	1
XLOC_014916	XLOC_014916	CNTN6	chr3:1134628-1445278	0	1
XLOC_014919	XLOC_014919	LRRN1	chr3:3841120-3889387	0	1
XLOC_014925	XLOC_014925	GRM7	chr3:6902801-7783218	0	1
XLOC_014928	XLOC_014928	CAV3	chr3:8775485-8788451	0	1
XLOC_014947	XLOC_014947	SLC6A11	chr3:10857916-10980146	0	1
XLOC_014951	XLOC_014951	SYN2	chr3:12045861-12233532	0	1
XLOC_014952	XLOC_014952	PPARG	chr3:12329348-12475855	0	1
XLOC_014959	XLOC_014959	FGD5P1	chr3:13974552-13978444	0	1
XLOC_014972	XLOC_014972	MIR563	chr3:15915277-15915356	0	1
XLOC_014976	XLOC_014976	LOC339862	chr3:18004063-18310410	0	1
XLOC_014981	XLOC_014981	VENTXP7	chr3:21447217-21448177	0	1
XLOC_014982	XLOC_014982	UBE2E2	chr3:23244783-23648882	0	1
XLOC_014983	XLOC_014983	MIR548AC	chr3:23244783-23648882	0	1
XLOC_014987	XLOC_014987	THRB-AS1	chr3:24158644-24541502	0	1
XLOC_014990	XLOC_014990	LRRC3B	chr3:26664299-26752265	0	1
XLOC_014993	XLOC_014993	LINC00693	chr3:28616768-28799828	0	1
XLOC_014994	XLOC_014994	RBMS3	chr3:29322802-30051886	0	1
XLOC_014997	XLOC_014997	OSBPL10-AS1	chr3:31702316-32033228	0	1
XLOC_015003	XLOC_015003	TRIM71	chr3:32859509-32933771	0	1
XLOC_015004	XLOC_015004	CCR4	chr3:32993065-32996403	0	1
XLOC_015008	XLOC_015008	ARPP21	chr3:35680665-35835988	0	1
XLOC_015009	XLOC_015009	MIR128-2	chr3:35680665-35835988	0	1
XLOC_015010	XLOC_015010	STAC	chr3:36422096-36589496	0	1
XLOC_015016	XLOC_015016	MIR26A1	chr3:37903668-38025960	0	1
XLOC_015028	XLOC_015028	CCR8	chr3:39371196-39375171	0	1
XLOC_015036	XLOC_015036	ENTPD3	chr3:40428672-40494799	0	1
XLOC_015047	XLOC_015047	KLHL40	chr3:42727010-42733938	0	1
XLOC_015048	XLOC_015048	CCDC13-AS1	chr3:42749873-42814745	0	1
XLOC_015051	XLOC_015051	KRBOX1	chr3:42977833-42984283	0	1
XLOC_015055	XLOC_015055	MIR138-1	chr3:44155703-44155802	0	1
XLOC_015056	XLOC_015056	TOPAZ1	chr3:44283377-44373590	0	1
XLOC_015074	XLOC_015074	CCR3	chr3:46283871-46308197	0	1
XLOC_015075	XLOC_015075	CCR2	chr3:46395234-46402413	0	1
XLOC_015078	XLOC_015078	RTP3	chr3:46539484-46542439	0	1
XLOC_015079	XLOC_015079	LRRC2-AS1	chr3:46556877-46608040	0	1
XLOC_015080	XLOC_015080	TDGF1	chr3:46616044-46623952	0	1
XLOC_015081	XLOC_015081	LOC100132146	chr3:46653924-46668033	0	1
XLOC_015090	XLOC_015090	MIR1226	chr3:47844398-47891686	0	1
XLOC_015091	XLOC_015091	MIR4443	chr3:48238053-48238106	0	1
XLOC_015092	XLOC_015092	CAMP	chr3:48264836-48266981	0	1
XLOC_015103	XLOC_015103	MIR4271	chr3:49306029-49314508	0	1
XLOC_015121	XLOC_015121	MIR4787	chr3:50712510-50712594	0	1
XLOC_015128	XLOC_015128	IQCF4	chr3:51851618-51853651	0	1

XLOC_015129	XLOC_015129	IQCF3	chr3:51860898-51864874	0	1
XLOC_015130	XLOC_015130	IQCF2	chr3:51895644-51897440	0	1
XLOC_015143	XLOC_015143	SNORD19	chr3:52719935-52742197	0	1
XLOC_015144	XLOC_015144	SNORD19B	chr3:52719935-52742197	0	1
XLOC_015145	XLOC_015145	SNORD69	chr3:52719935-52742197	0	1
XLOC_015152	XLOC_015152	CACNA2D3	chr3:54156692-55108584	0	1
XLOC_015154	XLOC_015154	ARHGFB3-AS1	chr3:56761445-57113336	0	1
XLOC_015166	XLOC_015166	LINC00698	chr3:63088363-63110737	0	1
XLOC_015167	XLOC_015167	SYNPR	chr3:63263913-63602597	0	1
XLOC_015168	XLOC_015168	SNTN	chr3:63638343-63650891	0	1
XLOC_015172	XLOC_015172	PRICKLE2-AS1	chr3:64053639-64211131	0	1
XLOC_015173	XLOC_015173	PRICKLE2-AS2	chr3:64053639-64211131	0	1
XLOC_015175	XLOC_015175	ADAMTS9-AS2	chr3:64501330-64997143	0	1
XLOC_015176	XLOC_015176	MIR548A2	chr3:64501330-64997143	0	1
XLOC_015177	XLOC_015177	MAG11-AS1	chr3:65339905-66024509	0	1
XLOC_015180	XLOC_015180	MIR4272	chr3:67275887-67275951	0	1
XLOC_015181	XLOC_015181	FAM19A1	chr3:68040733-68594771	0	1
XLOC_015184	XLOC_015184	GPR27	chr3:71728439-71804328	0	1
XLOC_015185	XLOC_015185	LOC201617	chr3:72200407-72223490	0	1
XLOC_015189	XLOC_015189	MIR4444-1	chr3:75263626-75263699	0	1
XLOC_015190	XLOC_015190	MIR1324	chr3:75679913-75680009	0	1
XLOC_015193	XLOC_015193	MIR4273	chr3:75786028-75834255	0	1
XLOC_015194	XLOC_015194	ROBO2	chr3:77089293-77699114	0	1
XLOC_015195	XLOC_015195	CADM2	chr3:85008132-86123579	0	1
XLOC_015196	XLOC_015196	MIR5688	chr3:85008132-86123579	0	1
XLOC_015198	XLOC_015198	HTR1F	chr3:88031725-88042919	0	1
XLOC_015204	XLOC_015204	LOC255025	chr3:94657106-94710169	0	1
XLOC_015205	XLOC_015205	EPHA6	chr3:96533424-97467786	0	1
XLOC_015208	XLOC_015208	OR5AC2	chr3:97806016-97806946	0	1
XLOC_015209	XLOC_015209	OR5H1	chr3:97851541-97852483	0	1
XLOC_015210	XLOC_015210	OR5H14	chr3:97868229-97869162	0	1
XLOC_015211	XLOC_015211	OR5H15	chr3:97887543-97888485	0	1
XLOC_015212	XLOC_015212	OR5H6	chr3:97983128-97984106	0	1
XLOC_015213	XLOC_015213	OR5H2	chr3:98001731-98002676	0	1
XLOC_015214	XLOC_015214	OR5K4	chr3:98072697-98073663	0	1
XLOC_015215	XLOC_015215	OR5K3	chr3:98109509-98110475	0	1
XLOC_015216	XLOC_015216	OR5K1	chr3:98188420-98189372	0	1
XLOC_015218	XLOC_015218	GPR15	chr3:98250742-98251994	0	1
XLOC_015220	XLOC_015220	COL8A1	chr3:99273152-99897476	0	1
XLOC_015227	XLOC_015227	GPR128	chr3:100328432-100414323	0	1
XLOC_015245	XLOC_015245	TRAT1	chr3:108541630-108573714	0	1
XLOC_015246	XLOC_015246	FLJ22763	chr3:108855560-108868951	0	1
XLOC_015247	XLOC_015247	LINC00488	chr3:108897011-108904108	0	1
XLOC_015248	XLOC_015248	FLJ25363	chr3:109128836-109214014	0	1
XLOC_015256	XLOC_015256	MIR567	chr3:111805181-111837073	0	1
XLOC_015261	XLOC_015261	WDR52-AS1	chr3:112931374-113160361	0	1
XLOC_015263	XLOC_015263	MIR4446	chr3:113251217-113348422	0	1
XLOC_015268	XLOC_015268	TIGIT	chr3:114012832-114029135	0	1
XLOC_015269	XLOC_015269	ZBTB20-AS1	chr3:114056946-114866127	0	1
XLOC_015270	XLOC_015270	GAP43	chr3:115342150-115440334	0	1
XLOC_015271	XLOC_015271	LSAMP-AS3	chr3:116428634-116435887	0	1
XLOC_015272	XLOC_015272	IGSF11-AS1	chr3:118619478-118864898	0	1
XLOC_015273	XLOC_015273	C3orf30	chr3:118864996-118870302	0	1
XLOC_015279	XLOC_015279	PLA1A	chr3:119316694-119348658	0	1
XLOC_015280	XLOC_015280	MAATS1	chr3:119421868-119485949	0	1
XLOC_015289	XLOC_015289	CD86	chr3:121774208-121839988	0	1
XLOC_015290	XLOC_015290	CASR	chr3:121902529-122005344	0	1
XLOC_015302	XLOC_015302	MIR5002	chr3:123813557-124440036	0	1
XLOC_015305	XLOC_015305	ROPN1B	chr3:125688027-125702296	0	1
XLOC_015306	XLOC_015306	ALDH1L1-AS1	chr3:125822403-125929011	0	1
XLOC_015307	XLOC_015307	ALDH1L1-AS2	chr3:125822403-125929011	0	1
XLOC_015310	XLOC_015310	NUP210P1	chr3:126380923-126390782	0	1
XLOC_015319	XLOC_015319	DNAJB8-AS1	chr3:128181274-128191160	0	1
XLOC_015320	XLOC_015320	LOC90246	chr3:128226677-128229429	0	1
XLOC_015323	XLOC_015323	EFCC1	chr3:128720471-128759585	0	1
XLOC_015324	XLOC_015324	GP9	chr3:128779644-128781253	0	1
XLOC_015329	XLOC_015329	RHO	chr3:129247481-129254187	0	1
XLOC_015330	XLOC_015330	H1FOO	chr3:129262056-129270204	0	1
XLOC_015335	XLOC_015335	COL6A5	chr3:130064358-130203688	0	1
XLOC_015341	XLOC_015341	ACPP	chr3:132036210-132087146	0	1
XLOC_015345	XLOC_015345	NPHP3-AS1	chr3:132276981-132593050	0	1
XLOC_015346	XLOC_015346	TMEM108	chr3:132757170-133116619	0	1
XLOC_015347	XLOC_015347	BFSP2	chr3:133118789-133194056	0	1
XLOC_015351	XLOC_015351	MIR4788	chr3:134156668-134156748	0	1
XLOC_015353	XLOC_015353	EPHB1	chr3:134514098-134979307	0	1
XLOC_015359	XLOC_015359	SOX14	chr3:137483133-137485172	0	1
XLOC_015366	XLOC_015366	BPESC1	chr3:138823026-138844005	0	1
XLOC_015368	XLOC_015368	CLSTN2	chr3:139654026-140286919	0	1
XLOC_015369	XLOC_015369	TRIM42	chr3:140396865-140419992	0	1

XLOC_015371	XLOC_015371	SPSB4	chr3:140770742-140867453	0	1
XLOC_015380	XLOC_015380	LOC100507389	chr1:142645516-142661378	0	1
XLOC_015382	XLOC_015382	CHST2	chr3:142838617-142842856	0	1
XLOC_015383	XLOC_015383	SLC9A9-AS1	chr3:142984063-143567373	0	1
XLOC_015385	XLOC_015385	ZIC1	chr3:147127180-147134506	0	1
XLOC_015386	XLOC_015386	AGTR1	chr3:148415657-148460790	0	1
XLOC_015387	XLOC_015387	CPB1	chr3:148545587-148579772	0	1
XLOC_015388	XLOC_015388	CPA3	chr3:148583042-148614872	0	1
XLOC_015390	XLOC_015390	HLTF-AS1	chr3:148747903-148820610	0	1
XLOC_015392	XLOC_015392	TM4SF4	chr3:149192367-149221181	0	1
XLOC_015399	XLOC_015399	CLRN1-AS1	chr3:150643949-150797617	0	1
XLOC_015400	XLOC_015400	MED12L	chr3:150804675-151176497	0	1
XLOC_015401	XLOC_015401	MIR548H2	chr3:151347319-151546276	0	1
XLOC_015402	XLOC_015402	AADACL2	chr3:151347319-151546276	0	1
XLOC_015403	XLOC_015403	LOC201651	chr3:151347319-151546276	0	1
XLOC_015404	XLOC_015404	AADAC	chr3:151347319-151546276	0	1
XLOC_015405	XLOC_015405	SUCNR1	chr3:151591430-151599876	0	1
XLOC_015411	XLOC_015411	MME	chr3:154797435-154901518	0	1
XLOC_015416	XLOC_015416	LOC100498859	chr3:156799455-156840791	0	1
XLOC_015417	XLOC_015417	PTX3	chr3:156977531-157221415	0	1
XLOC_015418	XLOC_015418	C3orf55	chr3:157261132-157319021	0	1
XLOC_015420	XLOC_015420	MLF1	chr3:158288952-158324249	0	1
XLOC_015424	XLOC_015424	MIR3919	chr3:158787040-159615155	0	1
XLOC_015428	XLOC_015428	MIR15B	chr3:160117429-160152741	0	1
XLOC_015429	XLOC_015429	MIR16-2	chr3:160117429-160152741	0	1
XLOC_015433	XLOC_015433	OTOL1	chr3:161214595-161221730	0	1
XLOC_015435	XLOC_015435	LOC646168	chr3:167613735-167641797	0	1
XLOC_015437	XLOC_015437	MIR551B	chr3:167967309-168548374	0	1
XLOC_015440	XLOC_015440	SAMD7	chr3:169629481-169656948	0	1
XLOC_015449	XLOC_015449	NLGN1	chr3:173116243-174001116	0	1
XLOC_015450	XLOC_015450	NAALADL2	chr3:174577110-175523428	0	1
XLOC_015451	XLOC_015451	MIR4789	chr3:174577110-175523428	0	1
XLOC_015470	XLOC_015470	ABCC5-AS1	chr3:183637723-183735727	0	1
XLOC_015471	XLOC_015471	HTR3D	chr3:183749331-183757157	0	1
XLOC_015472	XLOC_015472	HTR3C	chr3:183770834-183778461	0	1
XLOC_015473	XLOC_015473	HTR3E	chr3:183814851-183824783	0	1
XLOC_015479	XLOC_015479	MIR1224	chr3:183948316-183967313	0	1
XLOC_015483	XLOC_015483	SNORD66	chr3:184032282-184053146	0	1
XLOC_015489	XLOC_015489	EHHADH-AS1	chr3:184880688-184971886	0	1
XLOC_015493	XLOC_015493	LOC344887	chr3:185677757-185696655	0	1
XLOC_015497	XLOC_015497	HRG	chr3:186383797-186396023	0	1
XLOC_015498	XLOC_015498	KNG1	chr3:186435097-186462199	0	1
XLOC_015500	XLOC_015500	SNORD2	chr3:186501360-186524484	0	1
XLOC_015506	XLOC_015506	RTP1	chr3:186915273-186919253	0	1
XLOC_015507	XLOC_015507	RTP4	chr3:187086167-187089369	0	1
XLOC_015508	XLOC_015508	LOC100131635	chr3:187416046-187463513	0	1
XLOC_015512	XLOC_015512	TP63	chr3:189349215-189615068	0	1
XLOC_015513	XLOC_015513	MIR944	chr3:189349215-189615068	0	1
XLOC_015516	XLOC_015516	SNAR-I	chr3:190595718-190595839	0	1
XLOC_015517	XLOC_015517	OSTN	chr3:190930321-190967910	0	1
XLOC_015519	XLOC_015519	PYDC2	chr3:191178951-191179245	0	1
XLOC_015529	XLOC_015529	MIR570	chr3:195426271-195426368	0	1
XLOC_015531	XLOC_015531	LOC401109	chr3:195869506-195887761	0	1
XLOC_015545	XLOC_015545	FAM157A	chr3:197879236-197907728	0	1
XLOC_015546	XLOC_015546	CNTN4-AS2	chr3:2140549-3099645	0	1
XLOC_015547	XLOC_015547	IL5RA	chr3:3108007-3152058	0	1
XLOC_015552	XLOC_015552	MIR4790	chr3:5291861-5291940	0	1
XLOC_015563	XLOC_015563	CIDEA	chr3:9908393-9921938	0	1
XLOC_015572	XLOC_015572	MIR885	chr3:10365706-10547268	0	1
XLOC_015573	XLOC_015573	LINC00606	chr3:10801168-10805877	0	1
XLOC_015574	XLOC_015574	SLC6A1-AS1	chr3:11034419-11080935	0	1
XLOC_015577	XLOC_015577	TIMP4	chr3:12045861-12233532	0	1
XLOC_015584	XLOC_015584	WNT7A	chr3:13860081-13921618	0	1
XLOC_015595	XLOC_015595	MIR4270	chr3:15491639-15563258	0	1
XLOC_015603	XLOC_015603	MIR4791	chr3:19190016-19577135	0	1
XLOC_015607	XLOC_015607	ZNF385D	chr3:21462489-21792816	0	1
XLOC_015609	XLOC_015609	LINC00691	chr3:24141464-24144738	0	1
XLOC_015611	XLOC_015611	MIR4792	chr3:24562852-24562926	0	1
XLOC_015613	XLOC_015613	MIR4442	chr3:25706363-25706430	0	1
XLOC_015615	XLOC_015615	LINC00692	chr3:25900022-25915186	0	1
XLOC_015618	XLOC_015618	EOMES	chr3:27757885-27763785	0	1
XLOC_015620	XLOC_015620	GADL1	chr3:30767691-30936153	0	1
XLOC_015628	XLOC_015628	DCLK3	chr3:36753912-36781352	0	1
XLOC_015635	XLOC_015635	SCN5A	chr3:38589552-38691164	0	1
XLOC_015636	XLOC_015636	SCN10A	chr3:38738836-38835501	0	1
XLOC_015645	XLOC_015645	CKK	chr3:42299317-42307662	0	1
XLOC_015646	XLOC_015646	LYZL4	chr3:42438574-42452065	0	1
XLOC_015648	XLOC_015648	HHATL	chr3:42734154-42744319	0	1
XLOC_015651	XLOC_015651	CYP8B1	chr3:42913683-42917633	0	1

XLOC_015666	XLOC_015666	CCR1	chr3:46243199-46249832	0	1
XLOC_015667	XLOC_015667	LTF	chr3:46477495-46506598	0	1
XLOC_015671	XLOC_015671	PRSS46	chr3:46761072-4677921	0	1
XLOC_015672	XLOC_015672	PRSS45	chr3:46783580-46786245	0	1
XLOC_015673	XLOC_015673	PRSS42	chr3:46871893-46875585	0	1
XLOC_015674	XLOC_015674	MYL3	chr3:46899356-46904973	0	1
XLOC_015702	XLOC_015702	MIR425	chr3:49044636-49060926	0	1
XLOC_015703	XLOC_015703	MIR191	chr3:49044636-49060926	0	1
XLOC_015711	XLOC_015711	LOC646498	chr3:49215068-49229291	0	1
XLOC_015717	XLOC_015717	BSN-AS2	chr3:49586738-49591799	0	1
XLOC_015722	XLOC_015722	CDHR4	chr3:49828166-49837254	0	1
XLOC_015725	XLOC_015725	CAMKV	chr3:49895421-49907369	0	1
XLOC_015742	XLOC_015742	IQCF6	chr3:51812576-51813203	0	1
XLOC_015743	XLOC_015743	IQCF5	chr3:51907736-51909600	0	1
XLOC_015755	XLOC_015755	MIRLET7G	chr3:52288437-52312659	0	1
XLOC_015756	XLOC_015756	MIR135A1	chr3:52321835-52329272	0	1
XLOC_015774	XLOC_015774	CACNA2D3-AS1	chr3:54156692-55108584	0	1
XLOC_015775	XLOC_015775	LRTM1	chr3:54156692-55108584	0	1
XLOC_015776	XLOC_015776	WNT5A	chr3:55499742-55521670	0	1
XLOC_015778	XLOC_015778	ERC2-IT1	chr3:55542335-56502391	0	1
XLOC_015779	XLOC_015779	MIR3938	chr3:55542335-56502391	0	1
XLOC_015792	XLOC_015792	FAM3D	chr3:58619669-58652561	0	1
XLOC_015793	XLOC_015793	C3orf67	chr3:58727736-59035715	0	1
XLOC_015796	XLOC_015796	FEZF2	chr3:62355346-62359190	0	1
XLOC_015798	XLOC_015798	SYNPR-AS1	chr3:63263913-63602597	0	1
XLOC_015801	XLOC_015801	LOC100287879	chr3:64053639-64211131	0	1
XLOC_015802	XLOC_015802	PRICKLE2	chr3:64053639-64211131	0	1
XLOC_015807	XLOC_015807	FAM19A4	chr3:68780914-68981761	0	1
XLOC_015810	XLOC_015810	MIR3136	chr3:69068977-69101484	0	1
XLOC_015815	XLOC_015815	MIR1284	chr3:71003864-71633140	0	1
XLOC_015817	XLOC_015817	PROK2	chr3:71820805-71834357	0	1
XLOC_015820	XLOC_015820	PDZRN3	chr3:73431651-73674072	0	1
XLOC_015821	XLOC_015821	CNTN3	chr3:74311721-74570343	0	1
XLOC_015826	XLOC_015826	LOC440970	chr3:84687555-84918726	0	1
XLOC_015827	XLOC_015827	CADM2-AS2	chr3:85008132-86123579	0	1
XLOC_015828	XLOC_015828	RNU6-69	chr3:86490313-86490361	0	1
XLOC_015829	XLOC_015829	VGLL3	chr3:86987122-87040257	0	1
XLOC_015830	XLOC_015830	MIR4795	chr3:87275338-87275427	0	1
XLOC_015831	XLOC_015831	POU1F1	chr3:87308782-87325737	0	1
XLOC_015837	XLOC_015837	GABRR3	chr3:97705526-97754148	0	1
XLOC_015840	XLOC_015840	ST3GAL6-AS1	chr3:98433176-98514689	0	1
XLOC_015842	XLOC_015842	MIR548G	chr3:99273152-99897476	0	1
XLOC_015844	XLOC_015844	MIR3921	chr3:99273152-99897476	0	1
XLOC_015851	XLOC_015851	MIR548A3	chr3:103903475-103946105	0	1
XLOC_015854	XLOC_015854	LINC00635	chr3:107560508-107596915	0	1
XLOC_015859	XLOC_015859	RETNLB	chr3:108474485-108476130	0	1
XLOC_015860	XLOC_015860	GUCA1C	chr3:108626641-108672677	0	1
XLOC_015861	XLOC_015861	MORC1	chr3:108677086-108836993	0	1
XLOC_015862	XLOC_015862	DPPA2	chr3:109012634-109035364	0	1
XLOC_015863	XLOC_015863	DPPA4	chr3:109044987-109056419	0	1
XLOC_015865	XLOC_015865	ZBED2	chr3:111260925-111371206	0	1
XLOC_015871	XLOC_015871	CD200R1L	chr3:112534555-112564797	0	1
XLOC_015879	XLOC_015879	DRD3	chr3:113847556-113897899	0	1
XLOC_015881	XLOC_015881	MIR568	chr3:114035321-114035416	0	1
XLOC_015883	XLOC_015883	MIR4796	chr3:114056946-114866127	0	1
XLOC_015888	XLOC_015888	CD80	chr3:119243139-119278481	0	1
XLOC_015901	XLOC_015901	ILDR1	chr3:121706169-121741127	0	1
XLOC_015907	XLOC_015907	SEMA5B	chr3:122628039-122747452	0	1
XLOC_015912	XLOC_015912	ROPN1	chr3:123687878-123710199	0	1
XLOC_015917	XLOC_015917	MIR5092	chr3:124801479-124931609	0	1
XLOC_015921	XLOC_015921	MIR548I1	chr3:125509246-125509395	0	1
XLOC_015928	XLOC_015928	C3orf22	chr3:126268518-126277758	0	1
XLOC_015935	XLOC_015935	C3orf27	chr3:128290842-128294929	0	1
XLOC_015938	XLOC_015938	KIAA1257	chr3:128689781-128712986	0	1
XLOC_015955	XLOC_015955	MIR5704	chr3:131253576-131753844	0	1
XLOC_015959	XLOC_015959	C3orf36	chr3:133646989-133648656	0	1
XLOC_015960	XLOC_015960	SLCO2A1	chr3:133651539-133748920	0	1
XLOC_015973	XLOC_015973	FOXL2	chr3:138663065-138665982	0	1
XLOC_015975	XLOC_015975	PRR23B	chr3:138737872-138739768	0	1
XLOC_015977	XLOC_015977	PISRT1	chr3:138951833-138952364	0	1
XLOC_015979	XLOC_015979	RBP2	chr3:139171725-139195352	0	1
XLOC_015980	XLOC_015980	RBP1	chr3:139236275-139258671	0	1
XLOC_015986	XLOC_015986	PCOLCE2	chr3:142536701-142608045	0	1
XLOC_015987	XLOC_015987	PAQR9	chr3:142680073-142682178	0	1
XLOC_015990	XLOC_015990	PLOD2	chr3:145787227-145879282	0	1
XLOC_015994	XLOC_015994	PLSCR5	chr3:146303624-146324003	0	1
XLOC_015995	XLOC_015995	ZIC4	chr3:147103834-147124596	0	1
XLOC_015998	XLOC_015998	TM4SF18	chr3:149036284-149051548	0	1
XLOC_016002	XLOC_016002	ANKUB1	chr3:149478889-149510610	0	1

XLOC_016008	XLOC_016008	GPR171	chr3:150804675-151176497	0	1
XLOC_016009	XLOC_016009	P2RY14	chr3:150804675-151176497	0	1
XLOC_016011	XLOC_016011	P2RY13	chr3:150804675-151176497	0	1
XLOC_016012	XLOC_016012	P2RY12	chr3:150804675-151176497	0	1
XLOC_016013	XLOC_016013	IGSF10	chr3:150804675-151176497	0	1
XLOC_016014	XLOC_016014	MIR5186	chr3:151283663-151283783	0	1
XLOC_016019	XLOC_016019	GPR149	chr3:154055460-154147504	0	1
XLOC_016024	XLOC_016024	KCNAB1-AS2	chr3:155838336-156256927	0	1
XLOC_016025	XLOC_016025	KCNAB1-AS1	chr3:155838336-156256927	0	1
XLOC_016041	XLOC_016041	SPTSSB	chr3:161062579-161089871	0	1
XLOC_016042	XLOC_016042	CT64	chr3:162895030-163021089	0	1
XLOC_016043	XLOC_016043	SI	chr3:164696685-164796283	0	1
XLOC_016044	XLOC_016044	SLITRK3	chr3:164904507-164914469	0	1
XLOC_016045	XLOC_016045	BCHE	chr3:165490691-165555253	0	1
XLOC_016046	XLOC_016046	ZBBX	chr3:166958076-167098085	0	1
XLOC_016055	XLOC_016055	LRRC31	chr3:169557028-169587660	0	1
XLOC_016061	XLOC_016061	SLC2A2	chr3:170714136-170744768	0	1
XLOC_016063	XLOC_016063	MIR569	chr3:170780291-171178197	0	1
XLOC_016065	XLOC_016065	GHSR	chr3:172161080-172166246	0	1
XLOC_016066	XLOC_016066	TNFSF10	chr3:172223297-172241297	0	1
XLOC_016069	XLOC_016069	NAALADL2-AS3	chr3:174577110-175523428	0	1
XLOC_016078	XLOC_016078	FLJ46066	chr3:182164757-182204150	0	1
XLOC_016100	XLOC_016100	LOC253573	chr3:186172769-186211450	0	1
XLOC_016104	XLOC_016104	ADIPOQ-AS1	chr3:186560462-186576252	0	1
XLOC_016105	XLOC_016105	RPL39L	chr3:186838740-186857263	0	1
XLOC_016106	XLOC_016106	MASP1	chr3:186933872-187009810	0	1
XLOC_016107	XLOC_016107	SST	chr3:187386693-187388201	0	1
XLOC_016108	XLOC_016108	RTP2	chr3:187416046-187463513	0	1
XLOC_016113	XLOC_016113	CLDN1	chr3:190023489-190040235	0	1
XLOC_016114	XLOC_016114	TMEM207	chr3:190146443-190167665	0	1
XLOC_016115	XLOC_016115	GMNC	chr3:190570525-190580465	0	1
XLOC_016117	XLOC_016117	FGF12	chr3:191857181-192445388	0	1
XLOC_016122	XLOC_016122	LOC647323	chr3:193675160-193721448	0	1
XLOC_016123	XLOC_016123	DPPA2P3	chr3:193675160-193721448	0	1
XLOC_016125	XLOC_016125	CPN2	chr3:194060493-194072057	0	1
XLOC_016133	XLOC_016133	MIR5692C1	chr3:195208644-195208667	0	1
XLOC_016135	XLOC_016135	APOD	chr3:195295572-195311076	0	1
XLOC_016152	XLOC_016152	MIR4797	chr3:196769430-197030621	0	1
XLOC_016160	XLOC_016160	ZNF141	chr4:331595-367691	0	1
XLOC_016190	XLOC_016190	FLJ35424	chr4:3578595-3592712	0	1
XLOC_016196	XLOC_016196	STK32B	chr4:5053526-5502725	0	1
XLOC_016199	XLOC_016199	LOC285484	chr4:6202459-6235663	0	1
XLOC_016210	XLOC_016210	MIR4798	chr4:7194373-7744564	0	1
XLOC_016211	XLOC_016211	MIR4274	chr4:7194373-7744564	0	1
XLOC_016214	XLOC_016214	HTRA3	chr4:8271488-8308838	0	1
XLOC_016216	XLOC_016216	GPR78	chr4:8581963-8591750	0	1
XLOC_016218	XLOC_016218	LOC650293	chr4:8951476-8952127	0	1
XLOC_016219	XLOC_016219	USP17L10	chr4:9212382-9213975	0	1
XLOC_016220	XLOC_016220	USP17L18	chr4:9217130-9218723	0	1
XLOC_016221	XLOC_016221	USP17L21	chr4:9221877-9223470	0	1
XLOC_016222	XLOC_016222	USP17L13	chr4:9226621-9228214	0	1
XLOC_016223	XLOC_016223	USP17L15	chr4:9236110-9238060	0	1
XLOC_016224	XLOC_016224	USP17L17	chr4:9245604-9247197	0	1
XLOC_016225	XLOC_016225	USP17L18	chr4:9250355-9251948	0	1
XLOC_016226	XLOC_016226	USP17L19	chr4:9255103-9256696	0	1
XLOC_016227	XLOC_016227	USP17L22	chr4:9259849-9261442	0	1
XLOC_016228	XLOC_016228	USP17L12	chr4:9264597-9266190	0	1
XLOC_016229	XLOC_016229	USP17L22	chr4:9269344-9270937	0	1
XLOC_016230	XLOC_016230	USP17L28	chr4:9326890-9328483	0	1
XLOC_016231	XLOC_016231	USP17L26	chr4:9331636-9333229	0	1
XLOC_016232	XLOC_016232	USP17L24	chr4:9336383-9337976	0	1
XLOC_016233	XLOC_016233	USP17L28	chr4:9341128-9342721	0	1
XLOC_016234	XLOC_016234	USP17L25	chr4:9345873-9347466	0	1
XLOC_016235	XLOC_016235	USP17L30	chr4:9350618-9352211	0	1
XLOC_016236	XLOC_016236	USP17L27	chr4:9355363-9356956	0	1
XLOC_016237	XLOC_016237	USP17L9P	chr4:9360107-9361700	0	1
XLOC_016238	XLOC_016238	USP17L27	chr4:9364854-9366447	0	1
XLOC_016239	XLOC_016239	USP17L6P	chr4:9369599-9370796	0	1
XLOC_016241	XLOC_016241	DRD5	chr4:9783257-9785633	0	1
XLOC_016242	XLOC_016242	MIR572	chr4:11370450-11370545	0	1
XLOC_016243	XLOC_016243	MIR5091	chr4:13629488-13629581	0	1
XLOC_016244	XLOC_016244	LOC152742	chr4:14113591-14141676	0	1
XLOC_016246	XLOC_016246	C1QTNF7	chr4:15341559-15447791	0	1
XLOC_016250	XLOC_016250	CD38	chr4:15779930-15850706	0	1
XLOC_016252	XLOC_016252	CLRN2	chr4:17516787-17528727	0	1
XLOC_016256	XLOC_016256	SLIT2	chr4:20255234-20620788	0	1
XLOC_016257	XLOC_016257	SLIT2-IT1	chr4:20255234-20620788	0	1
XLOC_016258	XLOC_016258	MIR218-1	chr4:20255234-20620788	0	1
XLOC_016260	XLOC_016260	GBA3	chr4:22694547-22821192	0	1

XLOC_016261	XLOC_016261	SOD3	chr4:24797084-24802467	0	1
XLOC_016266	XLOC_016266	SLC34A2	chr4:25657434-25680368	0	1
XLOC_016271	XLOC_016271	MIR4275	chr4:28821203-28821290	0	1
XLOC_016273	XLOC_016273	DTHD1	chr4:36283236-36346407	0	1
XLOC_016274	XLOC_016274	KIAA1239	chr4:37246689-37451087	0	1
XLOC_016281	XLOC_016281	MIR574	chr4:38869353-38947365	0	1
XLOC_016291	XLOC_016291	CHRNA9	chr4:40337345-40357234	0	1
XLOC_016293	XLOC_016293	UCHL1	chr4:41258897-41270446	0	1
XLOC_016298	XLOC_016298	SHISA3	chr4:42399855-42404504	0	1
XLOC_016299	XLOC_016299	GRXCR1	chr4:42895282-43032675	0	1
XLOC_016301	XLOC_016301	GABRB1	chr4:47033294-47428447	0	1
XLOC_016306	XLOC_016306	ZAR1	chr4:48492308-48496422	0	1
XLOC_016308	XLOC_016308	CWH43	chr4:48988264-49064095	0	1
XLOC_016310	XLOC_016310	SPATA18	chr4:52917592-52963458	0	1
XLOC_016312	XLOC_016312	MIR4449	chr4:53578620-53580305	0	1
XLOC_016314	XLOC_016314	LOC152578	chr4:53656160-53681631	0	1
XLOC_016317	XLOC_016317	LNX1-AS1	chr4:54326436-54457753	0	1
XLOC_016318	XLOC_016318	LNX1-AS2	chr4:54459122-54471548	0	1
XLOC_016319	XLOC_016319	GSX2	chr4:54966247-54968122	0	1
XLOC_016320	XLOC_016320	PDGFRA	chr4:55095263-55164412	0	1
XLOC_016321	XLOC_016321	KIT	chr4:55524094-55606881	0	1
XLOC_016324	XLOC_016324	LOC644145	chr4:56686236-56703430	0	1
XLOC_016331	XLOC_016331	THEGL	chr4:57396774-57469489	0	1
XLOC_016334	XLOC_016334	LOC255130	chr4:57845108-58071465	0	1
XLOC_016335	XLOC_016335	LPHN3	chr4:62362838-62938168	0	1
XLOC_016336	XLOC_016336	LOC100144602	chr4:66535678-66559104	0	1
XLOC_016339	XLOC_016339	LOC550113	chr4:68918915-68995587	0	1
XLOC_016340	XLOC_016340	FTLP10	chr4:69048009-69083798	0	1
XLOC_016341	XLOC_016341	TMPPRSS11E	chr4:69313166-69363322	0	1
XLOC_016342	XLOC_016342	UGT2B10	chr4:69681712-69697741	0	1
XLOC_016343	XLOC_016343	UGT2B7	chr4:69962192-69978705	0	1
XLOC_016344	XLOC_016344	UGT2B28	chr4:70146216-70160768	0	1
XLOC_016345	XLOC_016345	CSN1S1	chr4:70796798-70812288	0	1
XLOC_016346	XLOC_016346	STATH	chr4:70861647-70868173	0	1
XLOC_016347	XLOC_016347	HTN3	chr4:70894129-70902255	0	1
XLOC_016348	XLOC_016348	HTN1	chr4:70916158-70924559	0	1
XLOC_016349	XLOC_016349	CSN1S2AP	chr4:70933102-70950988	0	1
XLOC_016350	XLOC_016350	CSN1S2BP	chr4:70999320-71012421	0	1
XLOC_016352	XLOC_016352	ODAM	chr4:71062243-71070293	0	1
XLOC_016353	XLOC_016353	FDCSP	chr4:71091787-71100968	0	1
XLOC_016354	XLOC_016354	CSN3	chr4:71108332-71117145	0	1
XLOC_016355	XLOC_016355	CABS1	chr4:71200670-71202833	0	1
XLOC_016356	XLOC_016356	SMR3A	chr4:71226492-71232823	0	1
XLOC_016357	XLOC_016357	SMR3B	chr4:71248794-71255961	0	1
XLOC_016358	XLOC_016358	PROL1	chr4:71263598-71275914	0	1
XLOC_016359	XLOC_016359	MUC7	chr4:71296208-71348714	0	1
XLOC_016360	XLOC_016360	AMTN	chr4:71384297-71398459	0	1
XLOC_016361	XLOC_016361	AMBN	chr4:71457974-71473004	0	1
XLOC_016367	XLOC_016367	SLC4A4	chr4:72053002-72437804	0	1
XLOC_016370	XLOC_016370	AFP	chr4:74301932-74321492	0	1
XLOC_016371	XLOC_016371	AFM	chr4:74347461-74369718	0	1
XLOC_016372	XLOC_016372	LOC728040	chr4:74374519-74394250	0	1
XLOC_016374	XLOC_016374	CXCL6	chr4:74702272-74704477	0	1
XLOC_016375	XLOC_016375	PF4V1	chr4:74719012-74720198	0	1
XLOC_016380	XLOC_016380	AREG	chr4:75310852-75320726	0	1
XLOC_016381	XLOC_016381	AREG	chr4:75480628-75490485	0	1
XLOC_016383	XLOC_016383	LOC441025	chr4:76279285-76287776	0	1
XLOC_016387	XLOC_016387	ART3	chr4:76932332-77033955	0	1
XLOC_016390	XLOC_016390	MIR4450	chr4:77356252-77704405	0	1
XLOC_016401	XLOC_016401	GDEP	chr4:80748624-80784401	0	1
XLOC_016414	XLOC_016414	MIR4451	chr4:86396283-86923823	0	1
XLOC_016418	XLOC_016418	DSPP	chr4:88529680-88538025	0	1
XLOC_016419	XLOC_016419	DMP1	chr4:88571453-88585512	0	1
XLOC_016420	XLOC_016420	IBSP	chr4:88720701-88733601	0	1
XLOC_016421	XLOC_016421	MEPE	chr4:88742562-88767968	0	1
XLOC_016429	XLOC_016429	LOC644248	chr4:90645249-90763142	0	1
XLOC_016430	XLOC_016430	MMRN1	chr4:90816051-90875780	0	1
XLOC_016431	XLOC_016431	CCSER1	chr4:91048683-92523370	0	1
XLOC_016432	XLOC_016432	GRID2	chr4:93225549-94693649	0	1
XLOC_016433	XLOC_016433	ATOH1	chr4:94750077-94751142	0	1
XLOC_016436	XLOC_016436	BMPR1B	chr4:95679127-96079601	0	1
XLOC_016437	XLOC_016437	PDHA2	chr4:96761238-96762625	0	1
XLOC_016440	XLOC_016440	MIR3684	chr4:99916787-99983960	0	1
XLOC_016442	XLOC_016442	C4orf17	chr4:100432160-100463460	0	1
XLOC_016447	XLOC_016447	BANK1	chr4:102711763-102995969	0	1
XLOC_016452	XLOC_016452	ARHGEF38-IT1	chr4:106473776-106602070	0	1
XLOC_016454	XLOC_016454	NPNT	chr4:106816596-106892828	0	1
XLOC_016474	XLOC_016474	MIR1243	chr4:113739238-114304896	0	1
XLOC_016476	XLOC_016476	MIR577	chr4:115519610-115598202	0	1

XLOC_016477	XLOC_016477	MIR1973	chr4:117220880-117220924	0	1
XLOC_016478	XLOC_016478	NDST3	chr4:118955499-119179789	0	1
XLOC_016481	XLOC_016481	CEP170P1	chr4:119437494-119475359	0	1
XLOC_016487	XLOC_016487	PP12613	chr4:122680084-122687963	0	1
XLOC_016495	XLOC_016495	LOC285419	chr4:124573939-124851518	0	1
XLOC_016496	XLOC_016496	FAT4	chr4:126237566-126414087	0	1
XLOC_016497	XLOC_016497	MIR2054	chr4:126428413-126428462	0	1
XLOC_016506	XLOC_016506	PCDH10	chr4:134070469-134112732	0	1
XLOC_016508	XLOC_016508	LINC00499	chr4:139230864-139345498	0	1
XLOC_016513	XLOC_016513	SCOC	chr4:141178439-141303710	0	1
XLOC_016520	XLOC_016520	GUSBP5	chr4:144480624-144482613	0	1
XLOC_016528	XLOC_016528	EDNRA	chr4:148402068-148466106	0	1
XLOC_016531	XLOC_016531	MIR4799	chr4:148653452-148993927	0	1
XLOC_016543	XLOC_016543	TLR2	chr4:154605440-154627242	0	1
XLOC_016544	XLOC_016544	FGF	chr4:155484131-155493915	0	1
XLOC_016546	XLOC_016546	RBM46	chr4:155702426-155749965	0	1
XLOC_016547	XLOC_016547	NPY2R	chr4:156129780-156138228	0	1
XLOC_016548	XLOC_016548	GUCY1A3	chr4:156587861-156658214	0	1
XLOC_016549	XLOC_016549	GUCY1B3	chr4:156680125-156728783	0	1
XLOC_016550	XLOC_016550	TDO2	chr4:156824844-156841558	0	1
XLOC_016551	XLOC_016551	GLRB	chr4:157997276-158093242	0	1
XLOC_016552	XLOC_016552	GRIA2	chr4:158141735-158287226	0	1
XLOC_016553	XLOC_016553	LOC340017	chr4:158493641-158497303	0	1
XLOC_016555	XLOC_016555	RXFP1	chr4:159442865-159574521	0	1
XLOC_016558	XLOC_016558	MIR3688-2	chr4:160049953-160050046	0	1
XLOC_016560	XLOC_016560	NPY5R	chr4:164285090-164273086	0	1
XLOC_016562	XLOC_016562	MIR5684	chr4:165426541-165630646	0	1
XLOC_016564	XLOC_016564	LOC100506013	chr4:165798155-165818676	0	1
XLOC_016565	XLOC_016565	FAM218A	chr4:165875597-165898818	0	1
XLOC_016569	XLOC_016569	CPE	chr4:166300096-166419482	0	1
XLOC_016570	XLOC_016570	MIR578	chr4:166300096-166419482	0	1
XLOC_016571	XLOC_016571	TLL1	chr4:166794409-167025609	0	1
XLOC_016572	XLOC_016572	ANXA10	chr4:169013687-169108893	0	1
XLOC_016575	XLOC_016575	LOC100506122	chr4:171961752-171980311	0	1
XLOC_016576	XLOC_016576	GALNTL6	chr4:172734574-173961558	0	1
XLOC_016579	XLOC_016579	NBLA00301	chr4:174451608-174462981	0	1
XLOC_016581	XLOC_016581	MIR4276	chr4:175344945-175345015	0	1
XLOC_016582	XLOC_016582	ADAM29	chr4:175839508-175899331	0	1
XLOC_016583	XLOC_016583	WDR17	chr4:176986984-177103979	0	1
XLOC_016586	XLOC_016586	LOC285501	chr4:178649910-178911904	0	1
XLOC_016587	XLOC_016587	MIR1305	chr4:183090445-183090531	0	1
XLOC_016596	XLOC_016596	HELT	chr4:185940082-185941926	0	1
XLOC_016605	XLOC_016605	F11	chr4:187187117-187422212	0	1
XLOC_016608	XLOC_016608	LOC401164	chr4:189376731-189523062	0	1
XLOC_016610	XLOC_016610	DUX2	chr4:190988866-190990406	0	1
XLOC_016611	XLOC_016611	DUX4L4	chr4:190992092-190993703	0	1
XLOC_016612	XLOC_016612	DUX4L5	chr4:190995385-190996996	0	1
XLOC_016613	XLOC_016613	DUX4L6	chr4:190998678-191000289	0	1
XLOC_016614	XLOC_016614	DUX4L4	chr4:191001978-191003583	0	1
XLOC_016615	XLOC_016615	DUX4	chr4:191005266-191006883	0	1
XLOC_016616	XLOC_016616	DUX4L3	chr4:191008565-191010176	0	1
XLOC_016617	XLOC_016617	DUX4	chr4:191011859-191013476	0	1
XLOC_016627	XLOC_016627	RNF212	chr4:1065265-1107352	0	1
XLOC_016628	XLOC_016628	TMED11P	chr4:1108984-1116952	0	1
XLOC_016642	XLOC_016642	HTT-AS1	chr4:3064972-3076241	0	1
XLOC_016644	XLOC_016644	LOC100133461	chr4:3675319-3679582	0	1
XLOC_016650	XLOC_016650	CYTL1	chr4:5016313-5021197	0	1
XLOC_016651	XLOC_016651	EVC2	chr4:5564145-5711275	0	1
XLOC_016653	XLOC_016653	MIR378D1	chr4:5925001-5925055	0	1
XLOC_016654	XLOC_016654	JAKMIP1	chr4:6027925-6202318	0	1
XLOC_016661	XLOC_016661	PSAPL1	chr4:7194373-7744564	0	1
XLOC_016665	XLOC_016665	HMX1	chr4:8868772-8873543	0	1
XLOC_016669	XLOC_016669	MIR3138	chr4:10075962-10118573	0	1
XLOC_016671	XLOC_016671	CLNK	chr4:10491837-10686386	0	1
XLOC_016672	XLOC_016672	HS3ST1	chr4:11399987-11430537	0	1
XLOC_016674	XLOC_016674	LOC285547	chr4:13527942-13533041	0	1
XLOC_016675	XLOC_016675	NKX3-2	chr4:13542453-13546114	0	1
XLOC_016676	XLOC_016676	LOC285548	chr4:13547699-13549448	0	1
XLOC_016678	XLOC_016678	LOC441009	chr4:14911584-15003669	0	1
XLOC_016680	XLOC_016680	FGFBP1	chr4:15937192-15940363	0	1
XLOC_016681	XLOC_016681	FGFBP2	chr4:15961862-15964859	0	1
XLOC_016684	XLOC_016684	LDB2	chr4:16503164-16900424	0	1
XLOC_016685	XLOC_016685	MIR548AX	chr4:16503164-16900424	0	1
XLOC_016691	XLOC_016691	KCNIP4-IT1	chr4:20730238-21950374	0	1
XLOC_016694	XLOC_016694	MIR548AJ2	chr4:23199716-23464726	0	1
XLOC_016696	XLOC_016696	MIR573	chr4:24521814-24521913	0	1
XLOC_016702	XLOC_016702	CCKAR	chr4:26483017-26492042	0	1
XLOC_016704	XLOC_016704	MIR4801	chr4:37243531-37243613	0	1
XLOC_016718	XLOC_016718	MIR4802	chr4:40425271-40631883	0	1

XLOC_016720	XLOC_016720	PHOX2B	chr4:41746098-41750987	0	1
XLOC_016723	XLOC_016723	KCTD8	chr4:44175919-44450824	0	1
XLOC_016727	XLOC_016727	GABRA2	chr4:46251580-46392056	0	1
XLOC_016729	XLOC_016729	GABRA4	chr4:46920916-46996424	0	1
XLOC_016741	XLOC_016741	ERVMER34-1	chr4:53609683-53617807	0	1
XLOC_016746	XLOC_016746	KDR	chr4:55944425-55991762	0	1
XLOC_016753	XLOC_016753	HOPX	chr4:57514153-57547872	0	1
XLOC_016754	XLOC_016754	SPINK2	chr4:57676025-57688035	0	1
XLOC_016757	XLOC_016757	TECRL	chr4:65144176-65275178	0	1
XLOC_016758	XLOC_016758	LOC401134	chr4:65779998-65870218	0	1
XLOC_016759	XLOC_016759	EPHA5	chr4:66185280-66535653	0	1
XLOC_016764	XLOC_016764	TMPRSS11A	chr4:68776018-68829232	0	1
XLOC_016765	XLOC_016765	TMPRSS11GP	chr4:68857529-68863157	0	1
XLOC_016766	XLOC_016766	TMPRSS11F	chr4:68918915-68995587	0	1
XLOC_016767	XLOC_016767	SYT14L	chr4:68918915-68995587	0	1
XLOC_016768	XLOC_016768	TMPRSS11BNL	chr4:69048009-69083798	0	1
XLOC_016769	XLOC_016769	TMPRSS11B	chr4:69092370-69111412	0	1
XLOC_016771	XLOC_016771	UGT2B17	chr4:69402902-69434245	0	1
XLOC_016772	XLOC_016772	UGT2B15	chr4:69512314-69536494	0	1
XLOC_016773	XLOC_016773	UGT2A3	chr4:69794176-69817509	0	1
XLOC_016774	XLOC_016774	UGT2B10	chr4:69870294-69886113	0	1
XLOC_016775	XLOC_016775	UGT2B11	chr4:70066050-70080449	0	1
XLOC_016776	XLOC_016776	UGT2B4	chr4:70345882-70361626	0	1
XLOC_016778	XLOC_016778	SULT1B1	chr4:70592685-70626430	0	1
XLOC_016779	XLOC_016779	SULT1E1	chr4:70706929-70725870	0	1
XLOC_016780	XLOC_016780	CSN2	chr4:70820973-70826726	0	1
XLOC_016783	XLOC_016783	GC	chr4:72607410-72671237	0	1
XLOC_016784	XLOC_016784	ADAMTS3	chr4:73146685-73434516	0	1
XLOC_016787	XLOC_016787	RASSF6	chr4:74437266-74486348	0	1
XLOC_016788	XLOC_016788	PF4	chr4:74846541-74847841	0	1
XLOC_016789	XLOC_016789	PPBP	chr4:74852155-74853907	0	1
XLOC_016790	XLOC_016790	CXCL5	chr4:74861358-74864416	0	1
XLOC_016792	XLOC_016792	PPBPP2	chr4:74919754-74921116	0	1
XLOC_016801	XLOC_016801	CXCL9	chr4:76922622-76928641	0	1
XLOC_016802	XLOC_016802	CXCL10	chr4:76932332-77033955	0	1
XLOC_016803	XLOC_016803	CXCL11	chr4:76932332-77033955	0	1
XLOC_016811	XLOC_016811	NAA11	chr4:80238271-80247171	0	1
XLOC_016812	XLOC_016812	GK2	chr4:80327506-80329372	0	1
XLOC_016814	XLOC_016814	PRKG2	chr4:82009836-82126215	0	1
XLOC_016819	XLOC_016819	LINC00575	chr4:83534265-83542590	0	1
XLOC_016821	XLOC_016821	MIR575	chr4:83550689-83720010	0	1
XLOC_016830	XLOC_016830	NKX6-1	chr4:85414435-85419387	0	1
XLOC_016832	XLOC_016832	MAPK10	chr4:86936275-87374283	0	1
XLOC_016837	XLOC_016837	MIR5705	chr4:88221646-88221735	0	1
XLOC_016846	XLOC_016846	GPRIN3	chr4:90165428-90229161	0	1
XLOC_016847	XLOC_016847	SNCA	chr4:90645249-90763142	0	1
XLOC_016848	XLOC_016848	HPGDS	chr4:95219706-95264027	0	1
XLOC_016849	XLOC_016849	UNC5C	chr4:96083655-96470361	0	1
XLOC_016854	XLOC_016854	ADH4	chr4:100010007-100222513	0	1
XLOC_016857	XLOC_016857	ADH1A	chr4:100010007-100222513	0	1
XLOC_016858	XLOC_016858	ADH1B	chr4:100227526-100242572	0	1
XLOC_016859	XLOC_016859	ADH1C	chr4:100257648-100273917	0	1
XLOC_016860	XLOC_016860	ADH7	chr4:100333417-100356667	0	1
XLOC_016865	XLOC_016865	DDIT4L	chr4:101107026-101111655	0	1
XLOC_016866	XLOC_016866	EMCN	chr4:101316497-101439250	0	1
XLOC_016867	XLOC_016867	EMCN-IT3	chr4:101581435-101596270	0	1
XLOC_016876	XLOC_016876	TACR3	chr4:104510624-104640973	0	1
XLOC_016881	XLOC_016881	GIMD1	chr4:107279339-107288592	0	1
XLOC_016882	XLOC_016882	DKK2	chr4:107842958-107957453	0	1
XLOC_016886	XLOC_016886	AGXT2L1	chr4:109663201-109684235	0	1
XLOC_016891	XLOC_016891	CFI	chr4:110661847-110723335	0	1
XLOC_016897	XLOC_016897	MIR367	chr4:113460488-113578748	0	1
XLOC_016898	XLOC_016898	MIR302D	chr4:113460488-113578748	0	1
XLOC_016899	XLOC_016899	MIR302A	chr4:113460488-113578748	0	1
XLOC_016900	XLOC_016900	MIR302C	chr4:113460488-113578748	0	1
XLOC_016901	XLOC_016901	MIR302B	chr4:113460488-113578748	0	1
XLOC_016904	XLOC_016904	NDST4	chr4:115748926-116035032	0	1
XLOC_016905	XLOC_016905	TRAM1L1	chr4:118004709-118006736	0	1
XLOC_016915	XLOC_016915	TNIP3	chr4:122052563-122148621	0	1
XLOC_016916	XLOC_016916	QRFPFR	chr4:122249796-122302181	0	1
XLOC_016918	XLOC_016918	TMEM155	chr4:122680084-122687963	0	1
XLOC_016921	XLOC_016921	TRPC3	chr4:122800182-122872909	0	1
XLOC_016922	XLOC_016922	IL2	chr4:123372625-123377650	0	1
XLOC_016923	XLOC_016923	IL21	chr4:123533782-123542212	0	1
XLOC_016930	XLOC_016930	PABPC4L	chr4:135117488-135122903	0	1
XLOC_016932	XLOC_016932	LINC00616	chr4:138948576-139163503	0	1
XLOC_016939	XLOC_016939	LOC100129858	chr4:141178439-141303710	0	1
XLOC_016940	XLOC_016940	CLGN	chr4:141309606-141348815	0	1
XLOC_016941	XLOC_016941	UCP1	chr4:141481049-141489959	0	1

XLOC_016942	XLOC_016942	TBC1D9	chr4:141541935-141677471	0	1
XLOC_016943	XLOC_016943	TNRC18P1	chr4:141541935-141677471	0	1
XLOC_016944	XLOC_016944	RNF150	chr4:141786724-142054616	0	1
XLOC_016945	XLOC_016945	INPP4B	chr4:142949181-143767604	0	1
XLOC_016946	XLOC_016946	FREM3	chr4:144498560-144621828	0	1
XLOC_016947	XLOC_016947	GYPE	chr4:144792018-144826716	0	1
XLOC_016948	XLOC_016948	GYPB	chr4:144917256-144940496	0	1
XLOC_016949	XLOC_016949	GYPA	chr4:145030455-145061904	0	1
XLOC_016954	XLOC_016954	LOC100505545	chr4:147030606-147043065	0	1
XLOC_016956	XLOC_016956	TTC29	chr4:147628178-147867034	0	1
XLOC_016963	XLOC_016963	MIR3140	chr4:153242409-153456393	0	1
XLOC_016964	XLOC_016964	TMEM154	chr4:153547265-153601317	0	1
XLOC_016967	XLOC_016967	RNF175	chr4:154631311-154681387	0	1
XLOC_016968	XLOC_016968	SFRP2	chr4:154701741-154710228	0	1
XLOC_016969	XLOC_016969	DCHS2	chr4:155155526-155412930	0	1
XLOC_016971	XLOC_016971	FGA	chr4:155504279-155511897	0	1
XLOC_016972	XLOC_016972	FGG	chr4:155525285-155533902	0	1
XLOC_016973	XLOC_016973	MAP9	chr4:156263811-156298122	0	1
XLOC_016974	XLOC_016974	ASIC5	chr4:156750880-156787425	0	1
XLOC_016976	XLOC_016976	PDGFC	chr4:157682762-157892546	0	1
XLOC_016980	XLOC_016980	C4orf45	chr4:159690181-159956333	0	1
XLOC_016981	XLOC_016981	MIR3688-1	chr4:160049953-160050046	0	1
XLOC_016984	XLOC_016984	NPY1R	chr4:164245116-164253947	0	1
XLOC_016985	XLOC_016985	TKTL2	chr4:164392246-164395047	0	1
XLOC_016987	XLOC_016987	ANP32C	chr4:164445449-165304407	0	1
XLOC_017002	XLOC_017002	SCRG1	chr4:174309298-174320617	0	1
XLOC_017003	XLOC_017003	HAND2	chr4:174447651-174451378	0	1
XLOC_017006	XLOC_017006	GLRA3	chr4:175563197-175750465	0	1
XLOC_017009	XLOC_017009	ASB5	chr4:177134825-177190373	0	1
XLOC_017010	XLOC_017010	VEGFC	chr4:177604690-177713895	0	1
XLOC_017012	XLOC_017012	LINC00290	chr4:181985242-182080302	0	1
XLOC_017028	XLOC_017028	MIR3945	chr4:185772166-185772264	0	1
XLOC_017029	XLOC_017029	LOC100506229	chr4:185814153-185820615	0	1
XLOC_017034	XLOC_017034	PDLIM3	chr4:186421814-186456712	0	1
XLOC_017035	XLOC_017035	SORBS2	chr4:186506597-186877870	0	1
XLOC_017037	XLOC_017037	LOC285441	chr4:187187117-187422212	0	1
XLOC_017038	XLOC_017038	MTNR1A	chr4:187454808-187476537	0	1
XLOC_017040	XLOC_017040	LOC339975	chr4:188225236-188426767	0	1
XLOC_017059	XLOC_017059	SLC6A19	chr5:1201709-1225230	0	1
XLOC_017060	XLOC_017060	SLC6A18	chr5:1225469-1246304	0	1
XLOC_017063	XLOC_017063	IRX1	chr5:3596167-3601517	0	1
XLOC_017064	XLOC_017064	LOC340094	chr5:5034471-5070115	0	1
XLOC_017067	XLOC_017067	UBE2QL1	chr5:6448735-6496834	0	1
XLOC_017068	XLOC_017068	LOC255167	chr5:6582286-6588613	0	1
XLOC_017071	XLOC_017071	ADCY2	chr5:7396342-7830194	0	1
XLOC_017074	XLOC_017074	LOC100505806	chr5:9546311-9550409	0	1
XLOC_017075	XLOC_017075	SNORD123	chr5:9546311-9550409	0	1
XLOC_017080	XLOC_017080	CT49	chr5:12574968-12805295	0	1
XLOC_017085	XLOC_017085	FBXL7	chr5:15500304-15939900	0	1
XLOC_017086	XLOC_017086	BASP1	chr5:17130136-17276954	0	1
XLOC_017088	XLOC_017088	PMCHL1	chr5:21750972-22853731	0	1
XLOC_017089	XLOC_017089	PRDM9	chr5:23507723-23528706	0	1
XLOC_017091	XLOC_017091	LSP1P3	chr5:28926976-28927420	0	1
XLOC_017097	XLOC_017097	LOC340113	chr5:32947548-32962573	0	1
XLOC_017099	XLOC_017099	RXFP3	chr5:33936490-33939023	0	1
XLOC_017105	XLOC_017105	IL7R	chr5:35856976-35879705	0	1
XLOC_017107	XLOC_017107	SLC1A3	chr5:36606456-36688436	0	1
XLOC_017110	XLOC_017110	EGFLAM	chr5:38258510-38465582	0	1
XLOC_017118	XLOC_017118	CCDC152	chr5:42756919-42812024	0	1
XLOC_017122	XLOC_017122	NNT	chr5:43573286-43705668	0	1
XLOC_017131	XLOC_017131	HSPB3	chr5:53751430-53752214	0	1
XLOC_017132	XLOC_017132	SNX18	chr5:53813588-53842416	0	1
XLOC_017133	XLOC_017133	GZMK	chr5:54320106-54329960	0	1
XLOC_017134	XLOC_017134	GZMA	chr5:54398473-54406080	0	1
XLOC_017142	XLOC_017142	GAPT	chr5:57787329-57792185	0	1
XLOC_017143	XLOC_017143	RAB3C	chr5:57878938-58147406	0	1
XLOC_017150	XLOC_017150	RNF180	chr5:63461670-63668696	0	1
XLOC_017151	XLOC_017151	RG57BP	chr5:63801773-63908121	0	1
XLOC_017152	XLOC_017152	FAM159B	chr5:63986134-64064496	0	1
XLOC_017174	XLOC_017174	SERF1A	chr5:70196489-70214357	0	1
XLOC_017179	XLOC_017179	CARTPT	chr5:71014989-71016875	0	1
XLOC_017181	XLOC_017181	MIR4803	chr5:71403117-71505397	0	1
XLOC_017184	XLOC_017184	MIR4804	chr5:72112417-72210215	0	1
XLOC_017186	XLOC_017186	TMEM171	chr5:72416387-72427644	0	1
XLOC_017187	XLOC_017187	TMEM174	chr5:72469022-72470970	0	1
XLOC_017196	XLOC_017196	SV2C	chr5:75379304-75621416	0	1
XLOC_017200	XLOC_017200	F2RL1	chr5:76114832-76131140	0	1
XLOC_017201	XLOC_017201	S100Z	chr5:76145825-76217056	0	1
XLOC_017202	XLOC_017202	CRHBP	chr5:76248679-76265299	0	1

XLOC_017208	XLOC_017208	BHMT	chr5:78407603-78428113	0	1
XLOC_017213	XLOC_017213	SPZ1	chr5:79615789-79617660	0	1
XLOC_017218	XLOC_017218	RNU5E-1	chr5:80256507-81047072	0	1
XLOC_017223	XLOC_017223	MIR3977	chr5:82135973-82136043	0	1
XLOC_017225	XLOC_017225	VCAN	chr5:82767492-82878122	0	1
XLOC_017226	XLOC_017226	NBPF22P	chr5:85578261-85593365	0	1
XLOC_017228	XLOC_017228	MIR3607	chr5:85913783-85916583	0	1
XLOC_017235	XLOC_017235	MIR548AO	chr5:92919042-93447404	0	1
XLOC_017239	XLOC_017239	GPR150	chr5:94955979-94957284	0	1
XLOC_017243	XLOC_017243	MIR583	chr5:95414841-95414916	0	1
XLOC_017253	XLOC_017253	RAB9BP1	chr5:104435174-104435799	0	1
XLOC_017256	XLOC_017256	LOC100289673	chr5:109218882-109221200	0	1
XLOC_017260	XLOC_017260	CAMK4	chr5:110559946-110820748	0	1
XLOC_017262	XLOC_017262	NREP-AS1	chr5:110834021-111353003	0	1
XLOC_017265	XLOC_017265	FLJ11235	chr5:111755279-111756677	0	1
XLOC_017270	XLOC_017270	KCNN2	chr5:113698015-113832197	0	1
XLOC_017273	XLOC_017273	ARL14EPL	chr5:115387162-115394827	0	1
XLOC_017276	XLOC_017276	MIR1244-2	chr5:118172568-118324240	0	1
XLOC_017281	XLOC_017281	PRR16	chr5:119800018-120022964	0	1
XLOC_017282	XLOC_017282	FTMT	chr5:121187649-121188523	0	1
XLOC_017295	XLOC_017295	MEGF10	chr5:126626455-126796910	0	1
XLOC_017297	XLOC_017297	CTXN3	chr5:126984712-126994322	0	1
XLOC_017299	XLOC_017299	SLC27A6	chr5:128301209-128369335	0	1
XLOC_017301	XLOC_017301	MIR4633	chr5:128430441-128449719	0	1
XLOC_017302	XLOC_017302	ADAMTS19	chr5:128796102-129074376	0	1
XLOC_017303	XLOC_017303	KIAA1024L	chr5:129083883-129100756	0	1
XLOC_017304	XLOC_017304	CHSY3	chr5:129240522-129522327	0	1
XLOC_017307	XLOC_017307	IL3	chr5:131396346-131398896	0	1
XLOC_017309	XLOC_017309	PDLIM4	chr5:131593350-131609147	0	1
XLOC_017315	XLOC_017315	IL4	chr5:132009677-132018370	0	1
XLOC_017317	XLOC_017317	SOWAHA	chr5:132149032-132152489	0	1
XLOC_017334	XLOC_017334	FBXL21	chr5:135266005-135277367	0	1
XLOC_017337	XLOC_017337	NPY6R	chr5:137136881-137146439	0	1
XLOC_017338	XLOC_017338	MYOT	chr5:137203544-137223540	0	1
XLOC_017339	XLOC_017339	PKD2L2	chr5:137225124-137368802	0	1
XLOC_017340	XLOC_017340	WNT8A	chr5:137419773-137427199	0	1
XLOC_017364	XLOC_017364	VTRNA1-1	chr5:140090860-140090958	0	1
XLOC_017365	XLOC_017365	VTRNA1-2	chr5:140098510-140098598	0	1
XLOC_017368	XLOC_017368	PCDHB1	chr5:140430978-140433512	0	1
XLOC_017374	XLOC_017374	PCDHB17	chr5:140535579-140537990	0	1
XLOC_017395	XLOC_017395	MIR5197	chr5:143059424-143059536	0	1
XLOC_017396	XLOC_017396	HMHBI	chr5:143191725-143200284	0	1
XLOC_017400	XLOC_017400	POU4F3	chr5:145718586-145720083	0	1
XLOC_017402	XLOC_017402	STK32A	chr5:146614578-146763768	0	1
XLOC_017403	XLOC_017403	JAKMIP2-AS1	chr5:146939556-147162411	0	1
XLOC_017404	XLOC_017404	SCGB3A2	chr5:147258273-147261756	0	1
XLOC_017405	XLOC_017405	SPINK5	chr5:147443534-147516925	0	1
XLOC_017406	XLOC_017406	SPINK14	chr5:147549295-147554961	0	1
XLOC_017407	XLOC_017407	SPINK6	chr5:147582356-147594700	0	1
XLOC_017408	XLOC_017408	SPINK13	chr5:147648422-147665773	0	1
XLOC_017409	XLOC_017409	SPINK7	chr5:147691989-147695481	0	1
XLOC_017410	XLOC_017410	SPINK9	chr5:147715121-147719412	0	1
XLOC_017412	XLOC_017412	ADRB2	chr5:148206155-148208197	0	1
XLOC_017422	XLOC_017422	CDX1	chr5:149546343-149564121	0	1
XLOC_017441	XLOC_017441	KIF4B	chr5:154393259-154397685	0	1
XLOC_017444	XLOC_017444	ITK	chr5:156607906-156682109	0	1
XLOC_017446	XLOC_017446	NIPAL4	chr5:156887026-156901730	0	1
XLOC_017447	XLOC_017447	C5orf52	chr5:157098560-157107162	0	1
XLOC_017452	XLOC_017452	ADRA1B	chr5:159343739-159400017	0	1
XLOC_017456	XLOC_017456	MIR3142	chr5:159901408-159901490	0	1
XLOC_017457	XLOC_017457	MIR146A	chr5:159912358-159912457	0	1
XLOC_017458	XLOC_017458	GABRA6	chr5:161112657-161129598	0	1
XLOC_017459	XLOC_017459	GABRA1	chr5:161274196-161326965	0	1
XLOC_017460	XLOC_017460	GABRG2	chr5:161494647-161582545	0	1
XLOC_017468	XLOC_017468	MIR103B1	chr5:167982627-168006614	0	1
XLOC_017470	XLOC_017470	DOCK2	chr5:169064250-169510386	0	1
XLOC_017471	XLOC_017471	MIR378E	chr5:169064250-169510386	0	1
XLOC_017472	XLOC_017472	FOX11	chr5:169532916-169536729	0	1
XLOC_017473	XLOC_017473	C5orf58	chr5:169659949-169673235	0	1
XLOC_017475	XLOC_017475	KCNIP1	chr5:169780880-170163636	0	1
XLOC_017476	XLOC_017476	GABRP	chr5:170210722-170241050	0	1
XLOC_017478	XLOC_017478	TLX3	chr5:170736287-170739138	0	1
XLOC_017491	XLOC_017491	C5orf47	chr5:173416161-173433143	0	1
XLOC_017494	XLOC_017494	MIR4634	chr5:174178736-174178790	0	1
XLOC_017497	XLOC_017497	CPLX2	chr5:175223609-175311023	0	1
XLOC_017498	XLOC_017498	FAM153B	chr5:175490711-175541801	0	1
XLOC_017499	XLOC_017499	LOC100507387	chr5:175546551-175552168	0	1
XLOC_017505	XLOC_017505	EIF4E1B	chr5:176057682-176073642	0	1
XLOC_017513	XLOC_017513	SLC34A1	chr5:176811431-176825849	0	1

XLOC_017526	XLOC_017526	ZNF879	chr5:178450775-178461388	0	1
XLOC_017527	XLOC_017527	ZNF354C	chr5:178487606-178507691	0	1
XLOC_017534	XLOC_017534	LINC00847	chr5:180256953-180262726	0	1
XLOC_017535	XLOC_017535	BTNL8	chr5:180326076-18037906	0	1
XLOC_017536	XLOC_017536	BTNL3	chr5:180415844-180433727	0	1
XLOC_017538	XLOC_017538	OR2V2	chr5:180581942-180582890	0	1
XLOC_017541	XLOC_017541	OR4F3	chr5:180794287-180795226	0	1
XLOC_017546	XLOC_017546	MIR4456	chr5:535954-535997	0	1
XLOC_017550	XLOC_017550	LOC100506688	chr5:988424-997455	0	1
XLOC_017552	XLOC_017552	MIR4635	chr5:1050488-1112172	0	1
XLOC_017554	XLOC_017554	MIR4457	chr5:1309424-1309492	0	1
XLOC_017560	XLOC_017560	MIR4277	chr5:1708899-1708983	0	1
XLOC_017564	XLOC_017564	LOC285577	chr5:3417265-3536208	0	1
XLOC_017568	XLOC_017568	MIR4278	chr5:6827965-6828034	0	1
XLOC_017569	XLOC_017569	MIR4454	chr5:7269415-7269467	0	1
XLOC_017571	XLOC_017571	C5orf49	chr5:7830490-7851603	0	1
XLOC_017575	XLOC_017575	MIR4636	chr5:9035137-9546233	0	1
XLOC_017576	XLOC_017576	TAS2R1	chr5:9629108-9630463	0	1
XLOC_017577	XLOC_017577	LOC285692	chr5:9641426-9903936	0	1
XLOC_017581	XLOC_017581	CTNND2	chr5:10971951-11904110	0	1
XLOC_017584	XLOC_017584	MIR4637	chr5:14704908-14871887	0	1
XLOC_017585	XLOC_017585	MARCH11	chr5:16067473-16179897	0	1
XLOC_017589	XLOC_017589	LOC285696	chr5:17130136-17276954	0	1
XLOC_017590	XLOC_017590	LOC401177	chr5:17379014-17387419	0	1
XLOC_017591	XLOC_017591	CDH18	chr5:19473154-19988353	0	1
XLOC_017593	XLOC_017593	CDH10	chr5:24487208-24645085	0	1
XLOC_017594	XLOC_017594	LOC340107	chr5:24835388-24840692	0	1
XLOC_017595	XLOC_017595	CDH9	chr5:26880708-27038689	0	1
XLOC_017597	XLOC_017597	MIR4279	chr5:31799030-32111038	0	1
XLOC_017601	XLOC_017601	ADAMTS12	chr5:33527286-33892124	0	1
XLOC_017602	XLOC_017602	SLC45A2	chr5:33944720-33984780	0	1
XLOC_017606	XLOC_017606	PRLR	chr5:35048860-35230823	0	1
XLOC_017607	XLOC_017607	CAPSL	chr5:35904397-35938881	0	1
XLOC_017609	XLOC_017609	UGT3A2	chr5:36035118-36067023	0	1
XLOC_017611	XLOC_017611	MIR580	chr5:36103413-36152015	0	1
XLOC_017617	XLOC_017617	GDNF	chr5:37812778-37839782	0	1
XLOC_017618	XLOC_017618	EGFLAM-AS4	chr5:38258510-38465582	0	1
XLOC_017619	XLOC_017619	LIFR	chr5:38475064-38595507	0	1
XLOC_017620	XLOC_017620	MIR3650	chr5:38475064-38595507	0	1
XLOC_017622	XLOC_017622	FYB	chr5:39105353-39270759	0	1
XLOC_017623	XLOC_017623	C9	chr5:39284377-39364655	0	1
XLOC_017629	XLOC_017629	SNORD72	chr5:40831429-40835387	0	1
XLOC_017630	XLOC_017630	MROH2B	chr5:40998121-41071444	0	1
XLOC_017631	XLOC_017631	C6	chr5:41142247-41261540	0	1
XLOC_017639	XLOC_017639	CCL28	chr5:43381599-43412488	0	1
XLOC_017644	XLOC_017644	FGF10	chr5:44305096-44388784	0	1
XLOC_017645	XLOC_017645	HCN1	chr5:45255051-45696220	0	1
XLOC_017650	XLOC_017650	MIR581	chr5:53180613-53606403	0	1
XLOC_017651	XLOC_017651	ESM1	chr5:54273694-54281414	0	1
XLOC_017653	XLOC_017653	MIR449A	chr5:54408798-54469005	0	1
XLOC_017654	XLOC_017654	MIR449B	chr5:54408798-54469005	0	1
XLOC_017655	XLOC_017655	MIR449C	chr5:54408798-54469005	0	1
XLOC_017660	XLOC_017660	MIR5687	chr5:54603575-54830873	0	1
XLOC_017664	XLOC_017664	ANKRD55	chr5:55395506-55529186	0	1
XLOC_017666	XLOC_017666	ACTBL2	chr5:56775842-56778636	0	1
XLOC_017674	XLOC_017674	HTR1A	chr5:63255874-63258119	0	1
XLOC_017681	XLOC_017681	CD180	chr5:66478103-66492617	0	1
XLOC_017693	XLOC_017693	ZNF366	chr5:71739233-71803249	0	1
XLOC_017703	XLOC_017703	F2RL2	chr5:75699148-76003957	0	1
XLOC_017716	XLOC_017716	LOC644936	chr5:79594916-79596297	0	1
XLOC_017718	XLOC_017718	ANKRD34B	chr5:79852573-79866304	0	1
XLOC_017727	XLOC_017727	HAPLN1	chr5:82934016-83016896	0	1
XLOC_017728	XLOC_017728	EDIL3	chr5:83238125-83680611	0	1
XLOC_017729	XLOC_017729	MIR4280	chr5:86410695-86410771	0	1
XLOC_017734	XLOC_017734	MIR3660	chr5:89312437-89312537	0	1
XLOC_017750	XLOC_017750	LIX1	chr5:96427573-96478520	0	1
XLOC_017756	XLOC_017756	SLCO4C1	chr5:101569691-101632253	0	1
XLOC_017757	XLOC_017757	SLCO6A1	chr5:101707651-101834720	0	1
XLOC_017770	XLOC_017770	TSSK1B	chr5:112312406-112824527	0	1
XLOC_017784	XLOC_017784	ZNF608	chr5:123972609-124080805	0	1
XLOC_017789	XLOC_017789	FBN2	chr5:127593600-127873735	0	1
XLOC_017790	XLOC_017790	MIR4460	chr5:128732754-128732840	0	1
XLOC_017797	XLOC_017797	MIR3936	chr5:131630144-131731306	0	1
XLOC_017799	XLOC_017799	IL5	chr5:131877135-131879214	0	1
XLOC_017807	XLOC_017807	MIR1289-2	chr5:132532151-132948223	0	1
XLOC_017816	XLOC_017816	LOC340073	chr5:134571923-134583867	0	1
XLOC_017818	XLOC_017818	C5orf20	chr5:134779903-134783038	0	1
XLOC_017819	XLOC_017819	TIFAB	chr5:134784557-134788089	0	1
XLOC_017820	XLOC_017820	NEUROG1	chr5:134869971-134871639	0	1

XLOC_017821	XLOC_017821	CXCL14	chr5:134906370-134914969	0	1
XLOC_017823	XLOC_017823	IL9	chr5:135227934-135231516	0	1
XLOC_017824	XLOC_017824	LECT2	chr5:135282599-135290723	0	1
XLOC_017828	XLOC_017828	TRPC7	chr5:135548998-135701164	0	1
XLOC_017829	XLOC_017829	SPOCK1	chr5:136310986-136835018	0	1
XLOC_017831	XLOC_017831	MIR874	chr5:136953188-137071779	0	1
XLOC_017834	XLOC_017834	NME5	chr5:137450860-137475132	0	1
XLOC_017841	XLOC_017841	SNORD63	chr5:137890570-137911318	0	1
XLOC_017867	XLOC_017867	LOC729080	chr5:141275190-141276260	0	1
XLOC_017872	XLOC_017872	ARHGAP26-AS1	chr5:142150291-142608572	0	1
XLOC_017876	XLOC_017876	GRXCR2	chr5:145239295-145252531	0	1
XLOC_017879	XLOC_017879	GPR151	chr5:145894416-145895676	0	1
XLOC_017880	XLOC_017880	PPP2R2B	chr5:145969066-146461083	0	1
XLOC_017881	XLOC_017881	PPP2R2B-IT1	chr5:145969066-146461083	0	1
XLOC_017882	XLOC_017882	DPYSL3	chr5:146770370-146889619	0	1
XLOC_017883	XLOC_017883	JAKMIP2	chr5:146939556-147162411	0	1
XLOC_017885	XLOC_017885	C5orf46	chr5:147272270-147286101	0	1
XLOC_017886	XLOC_017886	HTR4	chr5:147830594-148033739	0	1
XLOC_017894	XLOC_017894	CAMK2A	chr5:149599053-149669403	0	1
XLOC_017901	XLOC_017901	ZNF300P1	chr5:150309997-150326146	0	1
XLOC_017905	XLOC_017905	SLC36A3	chr5:150655925-150683334	0	1
XLOC_017908	XLOC_017908	SPARC	chr5:151040656-151066615	0	1
XLOC_017910	XLOC_017910	GLRA1	chr5:151202073-151304397	0	1
XLOC_017911	XLOC_017911	NMUR2	chr5:151771101-151784840	0	1
XLOC_017914	XLOC_017914	HAND1	chr5:153854531-153857824	0	1
XLOC_017915	XLOC_017915	MIR3141	chr5:153975571-153975632	0	1
XLOC_017918	XLOC_017918	TIMD4	chr5:156346292-156390266	0	1
XLOC_017919	XLOC_017919	HAVCR1	chr5:156456530-156485970	0	1
XLOC_017922	XLOC_017922	FAM71B	chr5:156589343-156593279	0	1
XLOC_017924	XLOC_017924	ADAM19	chr5:156904311-157002783	0	1
XLOC_017925	XLOC_017925	SOX30	chr5:157052686-157079428	0	1
XLOC_017929	XLOC_017929	IL12B	chr5:158741790-158757481	0	1
XLOC_017930	XLOC_017930	LOC285627	chr5:158875563-158893284	0	1
XLOC_017936	XLOC_017936	ATP10B	chr5:159990126-160279219	0	1
XLOC_017937	XLOC_017937	LOC285629	chr5:160358785-160365633	0	1
XLOC_017938	XLOC_017938	GABRB2	chr5:160715435-160975130	0	1
XLOC_017941	XLOC_017941	MIR103A1	chr5:167982627-168006614	0	1
XLOC_017942	XLOC_017942	SLIT3	chr5:168088737-168728133	0	1
XLOC_017943	XLOC_017943	MIR218-2	chr5:168088737-168728133	0	1
XLOC_017944	XLOC_017944	MIR585	chr5:168088737-168728133	0	1
XLOC_017945	XLOC_017945	FAM196B	chr5:169064250-169510386	0	1
XLOC_017946	XLOC_017946	LCP2	chr5:169675087-169724822	0	1
XLOC_017947	XLOC_017947	KCNMB1	chr5:169780880-170163636	0	1
XLOC_017948	XLOC_017948	MIR3912	chr5:170813659-170813764	0	1
XLOC_017956	XLOC_017956	STC2	chr5:172741725-172756506	0	1
XLOC_017958	XLOC_017958	FLJ16171	chr5:174346084-174422734	0	1
XLOC_017959	XLOC_017959	DRD1	chr5:174867674-174871163	0	1
XLOC_017967	XLOC_017967	SNCB	chr5:176047209-176057557	0	1
XLOC_017968	XLOC_017968	MIR4281	chr5:176047209-176057557	0	1
XLOC_017983	XLOC_017983	FAM153A	chr5:177150364-177207505	0	1
XLOC_017984	XLOC_017984	PROP1	chr5:177419235-177423243	0	1
XLOC_017998	XLOC_017998	MIR1229	chr5:179224597-179285840	0	1
XLOC_018002	XLOC_018002	MIR340	chr5:179382473-179499109	0	1
XLOC_018003	XLOC_018003	RASGEF1C	chr5:179527794-179636130	0	1
XLOC_018006	XLOC_018006	SCGB3A1	chr5:180017104-180018487	0	1
XLOC_018008	XLOC_018008	OR2Y1	chr5:180166122-180167058	0	1
XLOC_018012	XLOC_018012	OR2V1	chr5:180551356-180552304	0	1
XLOC_018014	XLOC_018014	MIR4638	chr5:180649565-180649633	0	1
XLOC_018016	XLOC_018016	SNORD96A	chr5:180663927-180670906	0	1
XLOC_018021	XLOC_018021	FOXQ1	chr6:1312674-1314993	0	1
XLOC_018022	XLOC_018022	FOXF2	chr6:1390068-1395832	0	1
XLOC_018031	XLOC_018031	FAM50B	chr6:3849631-3851551	0	1
XLOC_018035	XLOC_018035	PPP1R3G	chr6:5085719-5087455	0	1
XLOC_018037	XLOC_018037	LY86	chr6:6346697-6655216	0	1
XLOC_018047	XLOC_018047	MIR5689	chr6:10439949-10440027	0	1
XLOC_018055	XLOC_018055	TMEM170B	chr6:11538459-11583757	0	1
XLOC_018061	XLOC_018061	RNF182	chr6:13924676-13980240	0	1
XLOC_018065	XLOC_018065	MIR4639	chr6:16129316-16148478	0	1
XLOC_018067	XLOC_018067	STMND1	chr6:17102488-17131603	0	1
XLOC_018068	XLOC_018068	RBM24	chr6:17281808-17294099	0	1
XLOC_018073	XLOC_018073	MIR548A1	chr6:18572014-18572111	0	1
XLOC_018074	XLOC_018074	ID4	chr6:19837600-19842431	0	1
XLOC_018078	XLOC_018078	LINC00340	chr6:21666674-22194616	0	1
XLOC_018079	XLOC_018079	HDGFL1	chr6:22569677-22570750	0	1
XLOC_018087	XLOC_018087	SCGN	chr6:25652428-25702008	0	1
XLOC_018088	XLOC_018088	HIST1H2BA	chr6:25727136-25727573	0	1
XLOC_018089	XLOC_018089	HIST1H2APS1	chr6:25732660-25733089	0	1
XLOC_018090	XLOC_018090	SLC17A4	chr6:25754926-25781403	0	1
XLOC_018094	XLOC_018094	HIST1H3C	chr6:26045638-26046097	0	1

XLOC_018105	XLOC_018105	HIST1H4F	chr6:26240653-26241021	0	1
XLOC_018114	XLOC_018114	BTN1A1	chr6:26501494-26510652	0	1
XLOC_018122	XLOC_018122	MIR3143	chr6:27115404-27115467	0	1
XLOC_018124	XLOC_018124	VN1R10P	chr6:27292539-27293741	0	1
XLOC_018133	XLOC_018133	HIST1H2AL	chr6:27833106-27833576	0	1
XLOC_018145	XLOC_018145	GPX5	chr6:28493788-28502728	0	1
XLOC_018146	XLOC_018146	LOC100129636	chr6:29003999-29044517	0	1
XLOC_018147	XLOC_018147	OR2J3	chr6:29079667-29080603	0	1
XLOC_018148	XLOC_018148	OR2J2	chr6:29141310-29142351	0	1
XLOC_018149	XLOC_018149	OR14J1	chr6:29274466-29275432	0	1
XLOC_018150	XLOC_018150	OR12D2	chr6:29364415-29365448	0	1
XLOC_018151	XLOC_018151	OR10C1	chr6:29407715-29408754	0	1
XLOC_018153	XLOC_018153	LOC100507362	chr6:29497182-29501345	0	1
XLOC_018154	XLOC_018154	SNORD32B	chr6:29550028-29550105	0	1
XLOC_018156	XLOC_018156	MOG	chr6:29624757-29640149	0	1
XLOC_018173	XLOC_018173	MIR877	chr6:30539169-30559309	0	1
XLOC_018179	XLOC_018179	MIR4640	chr6:30851860-30867933	0	1
XLOC_018183	XLOC_018183	MUC21	chr6:30951484-30957675	0	1
XLOC_018184	XLOC_018184	MUC22	chr6:30973728-31003179	0	1
XLOC_018185	XLOC_018185	HCG22	chr6:31021226-31027655	0	1
XLOC_018191	XLOC_018191	HCG26	chr6:31439005-31440185	0	1
XLOC_018198	XLOC_018198	AIF1	chr6:31582993-31584798	0	1
XLOC_018204	XLOC_018204	LY6G6F	chr6:31674683-31678372	0	1
XLOC_018205	XLOC_018205	LY6G6D	chr6:31683132-31685581	0	1
XLOC_018211	XLOC_018211	SNORD48	chr6:31802692-31807541	0	1
XLOC_018212	XLOC_018212	SNORD52	chr6:31802692-31807541	0	1
XLOC_018219	XLOC_018219	STK19	chr6:31981517-31981961	0	1
XLOC_018224	XLOC_018224	HCG23	chr6:32358286-32361468	0	1
XLOC_018225	XLOC_018225	HLA-DRA	chr6:32407618-32412826	0	1
XLOC_018226	XLOC_018226	HLA-DQA1	chr6:32605182-32611429	0	1
XLOC_018227	XLOC_018227	HLA-DQA2	chr6:32709162-32714664	0	1
XLOC_018232	XLOC_018232	HLA-DPB1	chr6:33032345-33057473	0	1
XLOC_018233	XLOC_018233	HLA-DPB2	chr6:33080292-33096890	0	1
XLOC_018236	XLOC_018236	MIR219-1	chr6:33175611-33175721	0	1
XLOC_018260	XLOC_018260	CLPSL2	chr6:35744391-35747329	0	1
XLOC_018261	XLOC_018261	CLPSL1	chr6:35748830-35755841	0	1
XLOC_018272	XLOC_018272	PI16	chr6:36916038-36932613	0	1
XLOC_018273	XLOC_018273	FGD2	chr6:36973422-36996845	0	1
XLOC_018279	XLOC_018279	DNAH8	chr6:38683116-38989574	0	1
XLOC_018280	XLOC_018280	GLP1R	chr6:39016556-39055520	0	1
XLOC_018281	XLOC_018281	DAAM2	chr6:39760158-39902290	0	1
XLOC_018282	XLOC_018282	TDRG1	chr6:40346162-40347631	0	1
XLOC_018286	XLOC_018286	TREML4	chr6:41196061-41206120	0	1
XLOC_018287	XLOC_018287	TREML5P	chr6:41217114-41217327	0	1
XLOC_018288	XLOC_018288	NCR2	chr6:41303527-41318625	0	1
XLOC_018290	XLOC_018290	MIR4641	chr6:41514163-41570122	0	1
XLOC_018298	XLOC_018298	ATP6V0CP3	chr6:42695313-42695932	0	1
XLOC_018301	XLOC_018301	PTCRA	chr6:42883726-42893575	0	1
XLOC_018311	XLOC_018311	TTBK1	chr6:43211221-43255997	0	1
XLOC_018312	XLOC_018312	SLC22A7	chr6:43265997-43276530	0	1
XLOC_018323	XLOC_018323	CAPN11	chr6:44126547-44152139	0	1
XLOC_018329	XLOC_018329	MIR4642	chr6:44355250-44418161	0	1
XLOC_018334	XLOC_018334	ANKRD66	chr6:46714653-46726954	0	1
XLOC_018335	XLOC_018335	MEP1A	chr6:46761093-46807519	0	1
XLOC_018337	XLOC_018337	GPR111	chr6:47624325-47665533	0	1
XLOC_018339	XLOC_018339	OPN5	chr6:47749774-47794116	0	1
XLOC_018341	XLOC_018341	GLYATL3	chr6:49467670-49495777	0	1
XLOC_018343	XLOC_018343	TFAP2D	chr6:50681256-50740746	0	1
XLOC_018344	XLOC_018344	TFAP2B	chr6:50786438-50815326	0	1
XLOC_018345	XLOC_018345	MIR206	chr6:52009146-52009232	0	1
XLOC_018346	XLOC_018346	MIR133B	chr6:52013720-52013839	0	1
XLOC_018347	XLOC_018347	IL17A	chr6:52051184-52055436	0	1
XLOC_018353	XLOC_018353	MIR5685	chr6:53132195-53213977	0	1
XLOC_018355	XLOC_018355	MLIP-IT1	chr6:53863687-53871950	0	1
XLOC_018356	XLOC_018356	MLIP	chr6:53883713-54131078	0	1
XLOC_018357	XLOC_018357	TINAG	chr6:54173202-54254950	0	1
XLOC_018359	XLOC_018359	HCRTR2	chr6:55039070-55147418	0	1
XLOC_018360	XLOC_018360	GFRAL	chr6:55192266-55267291	0	1
XLOC_018361	XLOC_018361	BEND6	chr6:56819772-56892142	0	1
XLOC_018369	XLOC_018369	SLC25A51P1	chr6:66497771-66499376	0	1
XLOC_018370	XLOC_018370	BAI3	chr6:69345631-70099403	0	1
XLOC_018371	XLOC_018371	COL19A1	chr6:70576447-70922157	0	1
XLOC_018372	XLOC_018372	FAM135A	chr6:71123106-71270877	0	1
XLOC_018378	XLOC_018378	KHDC3L	chr6:74072399-74073898	0	1
XLOC_018388	XLOC_018388	RNY4	chr6:80451635-80451669	0	1
XLOC_018394	XLOC_018394	PRSS35	chr6:84222193-84235421	0	1
XLOC_018395	XLOC_018395	RIPLY2	chr6:84562984-84567234	0	1
XLOC_018399	XLOC_018399	HTR1E	chr6:87647023-87726397	0	1
XLOC_018407	XLOC_018407	SPACA1	chr6:88757506-88776550	0	1

XLOC_018412	XLOC_018412	GJA10	chr6:90604187-90605819	0	1
XLOC_018413	XLOC_018413	MIR4464	chr6:91022460-91022552	0	1
XLOC_018414	XLOC_018414	MIR4643	chr6:92231377-92231455	0	1
XLOC_018415	XLOC_018415	TSG1	chr6:94416800-94486199	0	1
XLOC_018417	XLOC_018417	FUT9	chr6:96463844-96663488	0	1
XLOC_018419	XLOC_018419	FHL5	chr6:97010423-97064512	0	1
XLOC_018421	XLOC_018421	MIR2113	chr6:98472406-98472495	0	1
XLOC_018422	XLOC_018422	POU3F2	chr6:99282579-99286666	0	1
XLOC_018424	XLOC_018424	PRDM13	chr6:100054649-100063454	0	1
XLOC_018425	XLOC_018425	LOC728012	chr6:100367785-100524295	0	1
XLOC_018426	XLOC_018426	GRIK2	chr6:101846860-102517958	0	1
XLOC_018427	XLOC_018427	LIN28B	chr6:105404922-105531207	0	1
XLOC_018428	XLOC_018428	BVES-AS1	chr6:105585561-105627858	0	1
XLOC_018434	XLOC_018434	NR2E1	chr6:108487214-108510013	0	1
XLOC_018440	XLOC_018440	CCDC162P	chr6:109615505-109629423	0	1
XLOC_018443	XLOC_018443	GPR6	chr6:110300297-110301924	0	1
XLOC_018453	XLOC_018453	RFPL4B	chr6:112668531-112672498	0	1
XLOC_018455	XLOC_018455	FLJ34503	chr6:114225550-114242806	0	1
XLOC_018461	XLOC_018461	FAM26D	chr6:116817650-116880031	0	1
XLOC_018465	XLOC_018465	RFX6	chr6:117198375-117253326	0	1
XLOC_018466	XLOC_018466	VGLL2	chr6:117586720-117594728	0	1
XLOC_018472	XLOC_018472	LOC100287632	chr6:119103870-119104581	0	1
XLOC_018479	XLOC_018479	CLVS2	chr6:123317581-123385063	0	1
XLOC_018484	XLOC_018484	HEY2	chr6:126070731-126082415	0	1
XLOC_018489	XLOC_018489	RSPO3	chr6:127440047-127518184	0	1
XLOC_018494	XLOC_018494	TMEM200A	chr6:130687425-130764210	0	1
XLOC_018500	XLOC_018500	LOC100507254	chr6:132455117-132490514	0	1
XLOC_018501	XLOC_018501	TAAR9	chr6:132859426-132860475	0	1
XLOC_018502	XLOC_018502	TAAR8	chr6:132873831-132874860	0	1
XLOC_018503	XLOC_018503	TAAR6	chr6:132891460-132892498	0	1
XLOC_018505	XLOC_018505	SNORD101	chr6:133135707-133138703	0	1
XLOC_018506	XLOC_018506	SNORD100	chr6:133135707-133138703	0	1
XLOC_018508	XLOC_018508	LINC00326	chr6:133409218-133427717	0	1
XLOC_018509	XLOC_018509	EYA4	chr6:133562494-133853258	0	1
XLOC_018510	XLOC_018510	MGC34034	chr6:134142284-134175130	0	1
XLOC_018511	XLOC_018511	TCF21	chr6:134210258-134216675	0	1
XLOC_018513	XLOC_018513	LOC154092	chr6:134758853-134825158	0	1
XLOC_018515	XLOC_018515	LINC00271	chr6:135818938-136011976	0	1
XLOC_018527	XLOC_018527	LOC100132735	chr6:140092209-140181608	0	1
XLOC_018528	XLOC_018528	MIR3668	chr6:140526388-140526463	0	1
XLOC_018529	XLOC_018529	MIR4465	chr6:141004950-141005020	0	1
XLOC_018536	XLOC_018536	ZC2HC1B	chr6:144185572-144259483	0	1
XLOC_018540	XLOC_018540	GRM1	chr6:146348781-146758731	0	1
XLOC_018541	XLOC_018541	RAB32	chr6:146864827-146876086	0	1
XLOC_018542	XLOC_018542	ADGB	chr6:146920135-147136597	0	1
XLOC_018554	XLOC_018554	PPP1R14C	chr6:150464187-150571528	0	1
XLOC_018555	XLOC_018555	IYD	chr6:150690027-150725765	0	1
XLOC_018561	XLOC_018561	ESR1	chr6:152011630-152424408	0	1
XLOC_018564	XLOC_018564	OPRM1	chr6:154331630-154677900	0	1
XLOC_018570	XLOC_018570	MIR3692	chr6:157802556-158094977	0	1
XLOC_018573	XLOC_018573	SYNJ2-IT1	chr6:158402887-158520207	0	1
XLOC_018579	XLOC_018579	FNDC1	chr6:159590428-159693140	0	1
XLOC_018584	XLOC_018584	MAS1	chr6:160327973-160329107	0	1
XLOC_018593	XLOC_018593	LINC00602	chr6:166337535-166403103	0	1
XLOC_018597	XLOC_018597	TCP10L2	chr6:167584080-167596396	0	1
XLOC_018598	XLOC_018598	UNC93A	chr6:167704802-167729502	0	1
XLOC_018599	XLOC_018599	TTLL2	chr6:167738573-167756177	0	1
XLOC_018601	XLOC_018601	KIF25	chr6:168418552-168445769	0	1
XLOC_018607	XLOC_018607	MIR4644	chr6:170615843-170714237	0	1
XLOC_018611	XLOC_018611	LOC285768	chr6:961240-1101567	0	1
XLOC_018616	XLOC_018616	MIR4645	chr6:2854264-2854341	0	1
XLOC_018625	XLOC_018625	PXDC1	chr6:3722835-3752246	0	1
XLOC_018630	XLOC_018630	MIR3691	chr6:5108652-5261172	0	1
XLOC_018632	XLOC_018632	F13A1	chr6:6144310-6320924	0	1
XLOC_018633	XLOC_018633	LY86-AS1	chr6:6346697-6655216	0	1
XLOC_018637	XLOC_018637	SCARNA27	chr6:7727010-8102828	0	1
XLOC_018644	XLOC_018644	ELOVL2	chr6:10980992-11079377	0	1
XLOC_018657	XLOC_018657	NHLRC1	chr6:18120717-18122851	0	1
XLOC_018661	XLOC_018661	LOC729177	chr6:21666674-22194616	0	1
XLOC_018662	XLOC_018662	PRL	chr6:22287472-22303082	0	1
XLOC_018669	XLOC_018669	CMAHP	chr6:25081294-25138620	0	1
XLOC_018670	XLOC_018670	HIST1H2AA	chr6:25726290-25726790	0	1
XLOC_018671	XLOC_018671	SLC17A1	chr6:25783125-25832287	0	1
XLOC_018672	XLOC_018672	SLC17A3	chr6:25845327-25874471	0	1
XLOC_018673	XLOC_018673	SLC17A2	chr6:25912983-25930946	0	1
XLOC_018674	XLOC_018674	HIST1H1A	chr6:26017259-26018040	0	1
XLOC_018678	XLOC_018678	HIST1H2BB	chr6:26043454-26043885	0	1
XLOC_018680	XLOC_018680	HIST1H1T	chr6:26107639-26108364	0	1
XLOC_018686	XLOC_018686	HIST1H4G	chr6:26246838-26247205	0	1

XLOC_018696	XLOC_018696	POM121L2	chr6:27276841-27280011	0	1
XLOC_018705	XLOC_018705	HIST1H4L	chr6:27840925-27841289	0	1
XLOC_018708	XLOC_018708	OR2B2	chr6:27878962-27880174	0	1
XLOC_018713	XLOC_018713	ZSCAN23	chr6:28400431-28411279	0	1
XLOC_018714	XLOC_018714	GPX6	chr6:28471072-28483570	0	1
XLOC_018718	XLOC_018718	ZNF311	chr6:28962593-28973037	0	1
XLOC_018719	XLOC_018719	OR2W1	chr6:29003999-29044517	0	1
XLOC_018720	XLOC_018720	OR2B3	chr6:29053984-29055090	0	1
XLOC_018721	XLOC_018721	OR5V1	chr6:29323006-29324054	0	1
XLOC_018722	XLOC_018722	OR12D3	chr6:29341199-29343068	0	1
XLOC_018723	XLOC_018723	OR11A1	chr6:29393280-29395509	0	1
XLOC_018724	XLOC_018724	MAS1L	chr6:29454542-29455679	0	1
XLOC_018725	XLOC_018725	UBD	chr6:29523388-29527702	0	1
XLOC_018727	XLOC_018727	ZFP57	chr6:29640168-29644931	0	1
XLOC_018730	XLOC_018730	HCG4	chr6:29758807-29765584	0	1
XLOC_018735	XLOC_018735	TRIM10	chr6:30119722-30128711	0	1
XLOC_018747	XLOC_018747	SFTA2	chr6:30899126-30899952	0	1
XLOC_018748	XLOC_018748	C6orf15	chr6:31078999-31080332	0	1
XLOC_018758	XLOC_018758	SNORD84	chr6:31496738-31514625	0	1
XLOC_018759	XLOC_018759	LTB	chr6:31548335-31550202	0	1
XLOC_018766	XLOC_018766	MIR4646	chr6:31654725-31671137	0	1
XLOC_018767	XLOC_018767	LY6G6E	chr6:31679752-31681842	0	1
XLOC_018780	XLOC_018780	MIR1236	chr6:31919863-31937532	0	1
XLOC_018782	XLOC_018782	TNXB	chr6:31973358-31981050	0	1
XLOC_018792	XLOC_018792	C6orf10	chr6:32260474-32339656	0	1
XLOC_018793	XLOC_018793	BTNL2	chr6:32362512-32374900	0	1
XLOC_018797	XLOC_018797	HLA-DQB1	chr6:32627240-32634466	0	1
XLOC_018798	XLOC_018798	HLA-DQB2	chr6:32723874-32731330	0	1
XLOC_018805	XLOC_018805	HLA-DOA	chr6:32971959-32977389	0	1
XLOC_018818	XLOC_018818	IP6K3	chr6:33689442-33714762	0	1
XLOC_018820	XLOC_018820	MLN	chr6:33762448-33771793	0	1
XLOC_018821	XLOC_018821	LOC100507584	chr6:33857287-33864684	0	1
XLOC_018822	XLOC_018822	MIR1275	chr6:33967748-33967828	0	1
XLOC_018823	XLOC_018823	GRM4	chr6:33989622-34123399	0	1
XLOC_018833	XLOC_018833	MIR5690	chr6:35541361-35704724	0	1
XLOC_018837	XLOC_018837	C6orf222	chr6:36283534-36304662	0	1
XLOC_018838	XLOC_018838	ETV7	chr6:36321997-36355577	0	1
XLOC_018841	XLOC_018841	MIR3925	chr6:36590212-36590289	0	1
XLOC_018847	XLOC_018847	MIR4462	chr6:37523140-37523198	0	1
XLOC_018848	XLOC_018848	MDGA1	chr6:37600283-37665766	0	1
XLOC_018851	XLOC_018851	LOC100131047	chr6:38683116-38998574	0	1
XLOC_018854	XLOC_018854	KCNK17	chr6:39266776-39282237	0	1
XLOC_018855	XLOC_018855	KCNK16	chr6:39282473-39290330	0	1
XLOC_018856	XLOC_018856	KIF6	chr6:39302875-39693181	0	1
XLOC_018857	XLOC_018857	MOCS1	chr6:39760158-39902290	0	1
XLOC_018858	XLOC_018858	FLJ41649	chr6:40312083-40323745	0	1
XLOC_018859	XLOC_018859	LRFN2	chr6:40359372-40555126	0	1
XLOC_018862	XLOC_018862	TREML1	chr6:41116998-41122087	0	1
XLOC_018864	XLOC_018864	TREML2	chr6:41157551-41168925	0	1
XLOC_018865	XLOC_018865	TREML3P	chr6:41176291-41185685	0	1
XLOC_018868	XLOC_018868	PGC	chr6:41704448-41715139	0	1
XLOC_018885	XLOC_018885	CRIP3	chr6:43265997-43276530	0	1
XLOC_018899	XLOC_018899	MIR586	chr6:44794466-45518819	0	1
XLOC_018904	XLOC_018904	PLA2G7	chr6:46655611-46703430	0	1
XLOC_018905	XLOC_018905	GPR116	chr6:46820241-46922675	0	1
XLOC_018910	XLOC_018910	RHAG	chr6:49572889-49604587	0	1
XLOC_018911	XLOC_018911	CRISP2	chr6:49660070-49681303	0	1
XLOC_018912	XLOC_018912	CRISP3	chr6:49695091-49712168	0	1
XLOC_018913	XLOC_018913	PGK2	chr6:49753363-49755053	0	1
XLOC_018914	XLOC_018914	CRISP1	chr6:49801978-49844809	0	1
XLOC_018915	XLOC_018915	DEFB133	chr6:49913813-49917157	0	1
XLOC_018916	XLOC_018916	DEFB114	chr6:49928004-49931818	0	1
XLOC_018917	XLOC_018917	DEFB113	chr6:49936389-49937338	0	1
XLOC_018918	XLOC_018918	DEFB110	chr6:49976850-49989694	0	1
XLOC_018919	XLOC_018919	DEFB112	chr6:50011287-50016364	0	1
XLOC_018920	XLOC_018920	PKHD1	chr6:51480144-51952423	0	1
XLOC_018924	XLOC_018924	GSTA7P	chr6:52604260-52609957	0	1
XLOC_018925	XLOC_018925	GSTA2	chr6:52614884-52628361	0	1
XLOC_018926	XLOC_018926	GSTA1	chr6:52656177-52668664	0	1
XLOC_018927	XLOC_018927	GSTA5	chr6:52696540-52710893	0	1
XLOC_018928	XLOC_018928	GSTA3	chr6:52761438-52774496	0	1
XLOC_018933	XLOC_018933	RPS16P5	chr6:53132195-53213977	0	1
XLOC_018936	XLOC_018936	HMGCLL1	chr6:55299170-55444012	0	1
XLOC_018937	XLOC_018937	BMP5	chr6:55620237-55740375	0	1
XLOC_018938	XLOC_018938	COL21A1	chr6:55921387-56112378	0	1
XLOC_018939	XLOC_018939	RNU6-71	chr6:56137688-56615138	0	1
XLOC_018943	XLOC_018943	KHDRBS2	chr6:62389864-62996100	0	1
XLOC_018947	XLOC_018947	COL9A1	chr6:70925742-71012786	0	1
XLOC_018949	XLOC_018949	MIR30C2	chr6:72086662-72086734	0	1

XLOC_018950	XLOC_018950	MIR30A	chr6:72113253-72113324	0	1
XLOC_018952	XLOC_018952	MIR4282	chr6:73331570-73908573	0	1
XLOC_018953	XLOC_018953	KCNQ5-AS1	chr6:73331570-73908573	0	1
XLOC_018954	XLOC_018954	KHDC1L	chr6:73933267-73935175	0	1
XLOC_018955	XLOC_018955	KHDC1	chr6:73951037-74020088	0	1
XLOC_018956	XLOC_018956	DPPA5	chr6:74062784-74063999	0	1
XLOC_018966	XLOC_018966	HTR1B	chr6:78171947-78173120	0	1
XLOC_018970	XLOC_018970	C6orf7	chr6:80513303-80580137	0	1
XLOC_018971	XLOC_018971	ELOVL4	chr6:80624528-80657315	0	1
XLOC_018976	XLOC_018976	ME1	chr6:83920109-84140938	0	1
XLOC_018977	XLOC_018977	SNAP91	chr6:84262604-84419127	0	1
XLOC_018979	XLOC_018979	TBX18	chr6:85442215-85473954	0	1
XLOC_018984	XLOC_018984	SNORD50B	chr6:86386724-86388451	0	1
XLOC_018985	XLOC_018985	CGA	chr6:87795215-87804865	0	1
XLOC_018989	XLOC_018989	CNR1	chr6:88849584-88875767	0	1
XLOC_018992	XLOC_018992	GABRR1	chr6:89887222-89941007	0	1
XLOC_018995	XLOC_018995	RRAGD	chr6:90074334-90121995	0	1
XLOC_019000	XLOC_019000	EPHA7	chr6:93949739-94129300	0	1
XLOC_019003	XLOC_019003	MIR548H3	chr6:97372495-97862283	0	1
XLOC_019011	XLOC_019011	MCHR2	chr6:100367785-100524295	0	1
XLOC_019012	XLOC_019012	SIM1	chr6:100836749-100911551	0	1
XLOC_019015	XLOC_019015	LINC00577	chr6:105384168-105388402	0	1
XLOC_019017	XLOC_019017	POPCD3	chr6:105585561-105627858	0	1
XLOC_019021	XLOC_019021	LOC100422737	chr6:107165326-107235300	0	1
XLOC_019024	XLOC_019024	SCML4	chr6:108023363-108145521	0	1
XLOC_019037	XLOC_019037	SLC22A16	chr6:110745891-110797844	0	1
XLOC_019045	XLOC_019045	LOC285758	chr6:114189178-114194512	0	1
XLOC_019047	XLOC_019047	HS3ST5	chr6:114376749-114384041	0	1
XLOC_019052	XLOC_019052	BET3L	chr6:116817650-116880031	0	1
XLOC_019054	XLOC_019054	FAM162B	chr6:117073359-117086886	0	1
XLOC_019055	XLOC_019055	GPRC6A	chr6:117113247-117150198	0	1
XLOC_019056	XLOC_019056	ROS1	chr6:117609529-117747018	0	1
XLOC_019060	XLOC_019060	FAM184A	chr6:119280995-119470358	0	1
XLOC_019061	XLOC_019061	MIR548B	chr6:119280995-119470358	0	1
XLOC_019063	XLOC_019063	LOC285762	chr6:119773711-119812467	0	1
XLOC_019066	XLOC_019066	TRDN	chr6:123537483-123958238	0	1
XLOC_019069	XLOC_019069	MIR5695	chr6:126433836-126443762	0	1
XLOC_019072	XLOC_019072	THEMIS	chr6:128029338-128239776	0	1
XLOC_019075	XLOC_019075	TMEM244	chr6:130152388-130182416	0	1
XLOC_019076	XLOC_019076	SAMD3	chr6:130465446-130686570	0	1
XLOC_019084	XLOC_019084	TAAR5	chr6:132909730-132910877	0	1
XLOC_019085	XLOC_019085	TAAR3	chr6:132929363-132930441	0	1
XLOC_019086	XLOC_019086	TAAR2	chr6:132938288-132945414	0	1
XLOC_019087	XLOC_019087	TAAR1	chr6:132966122-132967142	0	1
XLOC_019088	XLOC_019088	VNN1	chr6:133001996-133035194	0	1
XLOC_019089	XLOC_019089	VNN3	chr6:133043925-133055904	0	1
XLOC_019090	XLOC_019090	VNN2	chr6:133065008-133084598	0	1
XLOC_019093	XLOC_019093	HMG1A1P7	chr6:134435110-134438818	0	1
XLOC_019097	XLOC_019097	MIR3662	chr6:135281516-135376036	0	1
XLOC_019105	XLOC_019105	IL22RA2	chr6:137464956-137494785	0	1
XLOC_019107	XLOC_019107	QLIG3	chr6:137813335-137815531	0	1
XLOC_019108	XLOC_019108	LOC100130476	chr6:138144806-138204451	0	1
XLOC_019112	XLOC_019112	MIR3145	chr6:138743180-138893668	0	1
XLOC_019115	XLOC_019115	TXLNB	chr6:139561198-139613208	0	1
XLOC_019117	XLOC_019117	LOC645434	chr6:139790131-139795733	0	1
XLOC_019119	XLOC_019119	LOC153910	chr6:142847591-142959026	0	1
XLOC_019132	XLOC_019132	LOC100128176	chr6:149068270-149398126	0	1
XLOC_019153	XLOC_019153	NOX3	chr6:155716501-155777037	0	1
XLOC_019154	XLOC_019154	MIR4466	chr6:157099063-157531913	0	1
XLOC_019158	XLOC_019158	MIR3918	chr6:159071045-159185908	0	1
XLOC_019162	XLOC_019162	TAGAP	chr6:159456026-159466184	0	1
XLOC_019167	XLOC_019167	SNORA29	chr6:160181290-160210735	0	1
XLOC_019169	XLOC_019169	SLC22A2	chr6:160637793-160679963	0	1
XLOC_019175	XLOC_019175	PACRG-AS1	chr6:161768589-163745505	0	1
XLOC_019176	XLOC_019176	DKFZp451B082	chr6:163759373-163768065	0	1
XLOC_019177	XLOC_019177	CAHM	chr6:163834096-163834982	0	1
XLOC_019178	XLOC_019178	C6orf118	chr6:165693152-165723111	0	1
XLOC_019179	XLOC_019179	PDE10A	chr6:165740775-166075588	0	1
XLOC_019180	XLOC_019180	LINC00473	chr6:166337535-166403103	0	1
XLOC_019181	XLOC_019181	T	chr6:166571145-166582157	0	1
XLOC_019186	XLOC_019186	RPS6KA2-IT1	chr6:166822853-167275771	0	1
XLOC_019187	XLOC_019187	MIR1913	chr6:166822853-167275771	0	1
XLOC_019189	XLOC_019189	MIR3939	chr6:167411294-167411400	0	1
XLOC_019190	XLOC_019190	GPR31	chr6:167570359-167571319	0	1
XLOC_019191	XLOC_019191	TCP10	chr6:167786576-167797998	0	1
XLOC_019194	XLOC_019194	HGC6.3	chr6:168376603-168377619	0	1
XLOC_019195	XLOC_019195	FRMD1	chr6:168456463-168479839	0	1
XLOC_019196	XLOC_019196	DACT2	chr6:168707583-168720402	0	1
XLOC_019202	XLOC_019202	LOC154449	chr6:170563421-170571657	0	1

XLOC_020326	XLOC_020326	FAM20C	chr7:192968-300740	0	1
XLOC_020327	XLOC_020327	LOC100288524	chr7:330135-331454	0	1
XLOC_020328	XLOC_020328	LOC442497	chr7:419390-422845	0	1
XLOC_020336	XLOC_020336	UNCX	chr7:1272653-1276613	0	1
XLOC_020348	XLOC_020348	SDKI	chr7:3341079-4308631	0	1
XLOC_020372	XLOC_020372	NXP1	chr7:8473584-8792593	0	1
XLOC_020373	XLOC_020373	PER4	chr7:9673899-9675447	0	1
XLOC_020378	XLOC_020378	LOC100506025	chr7:16127151-16460947	0	1
XLOC_020379	XLOC_020379	LRRC72	chr7:16566504-16621114	0	1
XLOC_020384	XLOC_020384	MACC1-AS1	chr7:20174278-20257013	0	1
XLOC_020391	XLOC_020391	IL6	chr7:22766765-22771621	0	1
XLOC_020392	XLOC_020392	SNORD93	chr7:22896231-22896305	0	1
XLOC_020401	XLOC_020401	NPY	chr7:24323806-24331484	0	1
XLOC_020407	XLOC_020407	C7orf71	chr7:26677489-26686924	0	1
XLOC_020413	XLOC_020413	EVX1	chr7:27282163-27286192	0	1
XLOC_020421	XLOC_020421	WIPF3	chr7:29846169-29956682	0	1
XLOC_020425	XLOC_020425	MIR550A1	chr7:30323922-30407308	0	1
XLOC_020430	XLOC_020430	GHRHR	chr7:31003635-31019146	0	1
XLOC_020432	XLOC_020432	CCDC129	chr7:31553684-31698334	0	1
XLOC_020433	XLOC_020433	PPP1R17	chr7:31726630-31748069	0	1
XLOC_020439	XLOC_020439	BMPER	chr7:33944522-34195484	0	1
XLOC_020440	XLOC_020440	NPSR1	chr7:34386123-34917944	0	1
XLOC_020441	XLOC_020441	LOC401324	chr7:35353465-35416086	0	1
XLOC_020445	XLOC_020445	GPR141	chr7:37779995-37780913	0	1
XLOC_020446	XLOC_020446	NME8	chr7:37888198-37940002	0	1
XLOC_020447	XLOC_020447	EPDR1	chr7:37960162-37991542	0	1
XLOC_020450	XLOC_020450	POU6F2	chr7:39017608-39504390	0	1
XLOC_020457	XLOC_020457	INHBA-AS1	chr7:41728600-41818976	0	1
XLOC_020460	XLOC_020460	MIR3943	chr7:43152197-43602938	0	1
XLOC_020468	XLOC_020468	MIR4649	chr7:44143959-44154159	0	1
XLOC_020474	XLOC_020474	RAMP3	chr7:45197366-45223850	0	1
XLOC_020476	XLOC_020476	IGFBP1	chr7:45927958-45933267	0	1
XLOC_020477	XLOC_020477	C7orf65	chr7:47694841-47701246	0	1
XLOC_020479	XLOC_020479	C7orf69	chr7:47814249-47988071	0	1
XLOC_020484	XLOC_020484	VWC2	chr7:49813256-49952138	0	1
XLOC_020485	XLOC_020485	C7orf72	chr7:50135681-50198852	0	1
XLOC_020486	XLOC_020486	IKZF1	chr7:50344377-50472798	0	1
XLOC_020487	XLOC_020487	LOC100129427	chr7:50526133-50633154	0	1
XLOC_020488	XLOC_020488	POM121L12	chr7:53103348-53104618	0	1
XLOC_020489	XLOC_020489	VSTM2A	chr7:54610018-54639419	0	1
XLOC_020490	XLOC_020490	LOC285878	chr7:54610018-54639419	0	1
XLOC_020499	XLOC_020499	DKFZp434L192	chr7:56563915-56564977	0	1
XLOC_020500	XLOC_020500	MIR3147	chr7:57472730-57472796	0	1
XLOC_020501	XLOC_020501	ZNF716	chr7:57509882-57533265	0	1
XLOC_020502	XLOC_020502	LOC100287704	chr7:62809447-62812152	0	1
XLOC_020503	XLOC_020503	MIR4283-2	chr7:63081467-63081547	0	1
XLOC_020504	XLOC_020504	ZNF727	chr7:63505820-63538927	0	1
XLOC_020505	XLOC_020505	ZNF735	chr7:63667580-63680668	0	1
XLOC_020506	XLOC_020506	ZNF679	chr7:63688851-63727309	0	1
XLOC_020507	XLOC_020507	ZNF736	chr7:63773185-63810017	0	1
XLOC_020509	XLOC_020509	LOC641746	chr7:64042987-64044129	0	1
XLOC_020528	XLOC_020528	WBSCR17	chr7:70597522-71178586	0	1
XLOC_020529	XLOC_020529	MIR3914-2	chr7:70597522-71178586	0	1
XLOC_020530	XLOC_020530	MIR4650-1	chr7:72023728-72298813	0	1
XLOC_020538	XLOC_020538	FZD9	chr7:72848108-72850450	0	1
XLOC_020541	XLOC_020541	MIR4284	chr7:73113534-73134017	0	1
XLOC_020545	XLOC_020545	ELN	chr7:73442426-73484236	0	1
XLOC_020555	XLOC_020555	GATSL1	chr7:74379082-74438803	0	1
XLOC_020557	XLOC_020557	SPDYEBP	chr7:74936532-74946587	0	1
XLOC_020558	XLOC_020558	SPDYEBP	chr7:74964559-74988306	0	1
XLOC_020565	XLOC_020565	MIR4651	chr7:75544419-75623992	0	1
XLOC_020566	XLOC_020566	SNORA14A	chr7:75544419-75623992	0	1
XLOC_020580	XLOC_020580	RPL13AP17	chr7:77646373-79100524	0	1
XLOC_020581	XLOC_020581	MAGI2-AS2	chr7:77646373-79100524	0	1
XLOC_020583	XLOC_020583	MIR548M	chr7:79400571-79400606	0	1
XLOC_020592	XLOC_020592	ZNF804B	chr7:88388752-88966346	0	1
XLOC_020607	XLOC_020607	MIR4652	chr7:93346239-93346317	0	1
XLOC_020608	XLOC_020608	GNGT1	chr7:93535819-93540485	0	1
XLOC_020609	XLOC_020609	GNG11	chr7:93551015-93555826	0	1
XLOC_020610	XLOC_020610	COL1A2	chr7:94023872-94060544	0	1
XLOC_020612	XLOC_020612	PEG10	chr7:94285636-94299006	0	1
XLOC_020616	XLOC_020616	DLX6	chr7:96597826-96643377	0	1
XLOC_020618	XLOC_020618	TAC1	chr7:97361270-97369784	0	1
XLOC_020622	XLOC_020622	NPTX2	chr7:98246596-98259181	0	1
XLOC_020624	XLOC_020624	MIR3609	chr7:98476112-98610866	0	1
XLOC_020658	XLOC_020658	ZAN	chr7:100331248-100395419	0	1
XLOC_020667	XLOC_020667	MIR4653	chr7:100797685-100804557	0	1
XLOC_020672	XLOC_020672	MIR4285	chr7:101928404-101962178	0	1
XLOC_020676	XLOC_020676	MIR4467	chr7:102105389-102119381	0	1

XLOC_020678	XLOC_020678	SPDYE2L	chr7:102277194-102312176	0	1
XLOC_020684	XLOC_020684	LHFPL3	chr7:103969103-104567092	0	1
XLOC_020688	XLOC_020688	PIK3CG	chr7:106505923-106547592	0	1
XLOC_020689	XLOC_020689	PRKAR2B	chr7:106685177-106802256	0	1
XLOC_020703	XLOC_020703	MIR3666	chr7:113726364-114333827	0	1
XLOC_020704	XLOC_020704	MDFIC	chr7:114562208-114659970	0	1
XLOC_020714	XLOC_020714	ANKRD7	chr7:117864711-117882784	0	1
XLOC_020715	XLOC_020715	KCND2	chr7:119913721-120390387	0	1
XLOC_020719	XLOC_020719	PTPRZ1	chr7:121513158-121702090	0	1
XLOC_020723	XLOC_020723	HYALP1	chr7:123454192-123459484	0	1
XLOC_020724	XLOC_020724	HYAL4	chr7:123485222-123517531	0	1
XLOC_020725	XLOC_020725	SPAM1	chr7:123565285-123611461	0	1
XLOC_020730	XLOC_020730	MIR593	chr7:127292201-127732659	0	1
XLOC_020731	XLOC_020731	MIR129-1	chr7:127847924-127847996	0	1
XLOC_020756	XLOC_020756	CPA5	chr7:129984629-130008571	0	1
XLOC_020757	XLOC_020757	CPA1	chr7:130020289-130027949	0	1
XLOC_020759	XLOC_020759	MIR335	chr7:130126015-130371406	0	1
XLOC_020761	XLOC_020761	FLJ40288	chr7:132333552-132413528	0	1
XLOC_020765	XLOC_020765	AKR1B15	chr7:134233848-134264592	0	1
XLOC_020770	XLOC_020770	STRA8	chr7:134916730-134943244	0	1
XLOC_020773	XLOC_020773	CHRM2	chr7:136553398-136849088	0	1
XLOC_020774	XLOC_020774	MIR490	chr7:136553398-136849088	0	1
XLOC_020775	XLOC_020775	LOC100130880	chr7:137559724-137686847	0	1
XLOC_020776	XLOC_020776	AKR1D1	chr7:137761177-137803050	0	1
XLOC_020777	XLOC_020777	MIR4468	chr7:137808503-137808567	0	1
XLOC_020783	XLOC_020783	CLEC2L	chr7:139208673-139229731	0	1
XLOC_020796	XLOC_020796	OR9A4	chr7:141618675-141619620	0	1
XLOC_020798	XLOC_020798	LOC93432	chr7:141811548-141843783	0	1
XLOC_020801	XLOC_020801	PRSS2	chr7:142478756-142482399	0	1
XLOC_020803	XLOC_020803	C7orf34	chr7:142636602-142637957	0	1
XLOC_020804	XLOC_020804	OR6V1	chr7:142749437-142750379	0	1
XLOC_020805	XLOC_020805	PIP	chr7:142829173-142836834	0	1
XLOC_020806	XLOC_020806	TAS2R39	chr7:142880511-142881528	0	1
XLOC_020807	XLOC_020807	TAS2R40	chr7:142919171-142920143	0	1
XLOC_020814	XLOC_020814	TAS2R60	chr7:143078359-143220540	0	1
XLOC_020815	XLOC_020815	TAS2R41	chr7:143078359-143220540	0	1
XLOC_020818	XLOC_020818	OR2F2	chr7:143632325-143633279	0	1
XLOC_020819	XLOC_020819	OR2F1	chr7:143657019-143658108	0	1
XLOC_020820	XLOC_020820	OR6B1	chr7:143701089-143702025	0	1
XLOC_020821	XLOC_020821	OR2A5	chr7:143747494-143748430	0	1
XLOC_020822	XLOC_020822	OR2A25	chr7:143771312-143772245	0	1
XLOC_020823	XLOC_020823	OR2A12	chr7:143792200-143793133	0	1
XLOC_020824	XLOC_020824	OR2A2	chr7:143806675-143807632	0	1
XLOC_020825	XLOC_020825	OR2A14	chr7:143826205-143827138	0	1
XLOC_020827	XLOC_020827	OR2A20P,OR2A9P	chr7:143996465-143997598	0	1
XLOC_020829	XLOC_020829	RNU6-57	chr7:144038210-144038237	0	1
XLOC_020832	XLOC_020832	MIR548AQ	chr7:145813452-148118088	0	1
XLOC_020833	XLOC_020833	MIR548F3	chr7:145813452-148118088	0	1
XLOC_020834	XLOC_020834	MIR548T	chr7:145813452-148118088	0	1
XLOC_020835	XLOC_020835	C7orf33	chr7:148287656-148312952	0	1
XLOC_020842	XLOC_020842	KRBA1	chr7:149412147-149431664	0	1
XLOC_020848	XLOC_020848	RNU6-33	chr7:150064035-150064063	0	1
XLOC_020852	XLOC_020852	LOC285972	chr7:150130741-150145228	0	1
XLOC_020853	XLOC_020853	GIMAP8	chr7:150147961-150176483	0	1
XLOC_020854	XLOC_020854	GIMAP7	chr7:150211944-150218161	0	1
XLOC_020855	XLOC_020855	GIMAP4	chr7:150264457-150271041	0	1
XLOC_020858	XLOC_020858	TMEM176A	chr7:150488375-150502208	0	1
XLOC_020867	XLOC_020867	WDR86-AS1	chr7:151078206-151110132	0	1
XLOC_020869	XLOC_020869	GALNTL5	chr7:151653463-151717019	0	1
XLOC_020874	XLOC_020874	DPP6	chr7:153584418-154685995	0	1
XLOC_020877	XLOC_020877	HTR5A	chr7:154858778-154879102	0	1
XLOC_020887	XLOC_020887	LOC100506585	chr7:157331749-158380482	0	1
XLOC_020888	XLOC_020888	MIR5707	chr7:158384307-158384388	0	1
XLOC_020890	XLOC_020890	LINC00689	chr7:158801044-158818929	0	1
XLOC_020896	XLOC_020896	MIR339	chr7:1036622-1177893	0	1
XLOC_020903	XLOC_020903	MIR4655	chr7:1855427-2272583	0	1
XLOC_020908	XLOC_020908	CARD11	chr7:2945709-3083509	0	1
XLOC_020909	XLOC_020909	MIR4656	chr7:4815261-4834026	0	1
XLOC_020910	XLOC_020910	RADIL	chr7:4838739-4923335	0	1
XLOC_020911	XLOC_020911	PAPOLB	chr7:4838739-4923335	0	1
XLOC_020916	XLOC_020916	MIR589	chr7:5515427-5553399	0	1
XLOC_020931	XLOC_020931	COL28A1	chr7:7398243-7575460	0	1
XLOC_020935	XLOC_020935	THSD7A	chr7:11410061-11871824	0	1
XLOC_020936	XLOC_020936	VWDE	chr7:12370508-12443852	0	1
XLOC_020939	XLOC_020939	AGMO	chr7:15239942-15601640	0	1
XLOC_020940	XLOC_020940	MEOX2	chr7:15650836-15726308	0	1
XLOC_020944	XLOC_020944	AGR2	chr7:16832263-16844738	0	1
XLOC_020945	XLOC_020945	AGR3	chr7:16899029-16921613	0	1
XLOC_020947	XLOC_020947	PRPS1L1	chr7:18066399-18067486	0	1

XLOC_020948	XLOC_020948	TWIST1	chr7:19155090-19157295	0	1
XLOC_020949	XLOC_020949	FERD3L	chr7:19184404-19185044	0	1
XLOC_020951	XLOC_020951	MIR3146	chr7:19735084-19748660	0	1
XLOC_020952	XLOC_020952	TMEM196	chr7:19758937-19812404	0	1
XLOC_020963	XLOC_020963	CLK2P	chr7:23624334-23626146	0	1
XLOC_020968	XLOC_020968	NPVF	chr7:25264190-25268105	0	1
XLOC_020969	XLOC_020969	RNU6-16	chr7:25880600-25880630	0	1
XLOC_020970	XLOC_020970	MIR148A	chr7:25989538-25989606	0	1
XLOC_020987	XLOC_020987	TRIL	chr7:28992973-28998029	0	1
XLOC_020990	XLOC_020990	MIR550A3	chr7:29685537-29727859	0	1
XLOC_020997	XLOC_020997	NEUROD6	chr7:31377074-31380538	0	1
XLOC_020998	XLOC_020998	PDE1C	chr7:31792631-32338383	0	1
XLOC_020999	XLOC_020999	LOC100130673	chr7:32496509-32498106	0	1
XLOC_021002	XLOC_021002	MIR550B2	chr7:32772592-32772689	0	1
XLOC_021007	XLOC_021007	NPSR1-AS1	chr7:34386123-34917944	0	1
XLOC_021010	XLOC_021010	TBX20	chr7:35242041-35293711	0	1
XLOC_021013	XLOC_021013	AOAH	chr7:36552548-36764154	0	1
XLOC_021014	XLOC_021014	AOAH-IT1	chr7:36552548-36764154	0	1
XLOC_021015	XLOC_021015	ELMO1	chr7:36892510-37488895	0	1
XLOC_021016	XLOC_021016	MIR1200	chr7:36892510-37488895	0	1
XLOC_021017	XLOC_021017	SFRP4	chr7:37945534-37956525	0	1
XLOC_021018	XLOC_021018	TARP	chr7:38299243-38313248	0	1
XLOC_021019	XLOC_021019	AMPH	chr7:38423296-38671167	0	1
XLOC_021022	XLOC_021022	POU6F2-AS1	chr7:39017608-39504390	0	1
XLOC_021025	XLOC_021025	GLI3	chr7:42000547-42276618	0	1
XLOC_021036	XLOC_021036	MYL7	chr7:44178462-44180916	0	1
XLOC_021037	XLOC_021037	GCK	chr7:44183869-44229022	0	1
XLOC_021054	XLOC_021054	IGFBP3	chr7:45951843-45960871	0	1
XLOC_021059	XLOC_021059	ZBPB	chr7:49977023-50132860	0	1
XLOC_021064	XLOC_021064	FLJ45974	chr7:53723201-53879624	0	1
XLOC_021065	XLOC_021065	HPVC1	chr7:54268916-54270114	0	1
XLOC_021067	XLOC_021067	EGFR-AS1	chr7:55086724-55275031	0	1
XLOC_021075	XLOC_021075	LOC650226	chr7:56491396-56516068	0	1
XLOC_021076	XLOC_021076	LOC100130849	chr7:56943077-56949839	0	1
XLOC_021077	XLOC_021077	MIR4283-2	chr7:57023491-57023571	0	1
XLOC_021079	XLOC_021079	GUSBP10	chr7:57233376-57247863	0	1
XLOC_021081	XLOC_021081	LOC100287834	chr7:62856717-62859419	0	1
XLOC_021082	XLOC_021082	LOC100506050	chr7:63484795-63490480	0	1
XLOC_021091	XLOC_021091	MIR4650-1	chr7:66461791-66704507	0	1
XLOC_021093	XLOC_021093	MIR3914-1	chr7:70597522-71178586	0	1
XLOC_021124	XLOC_021124	CCL24	chr7:75441113-75443033	0	1
XLOC_021136	XLOC_021136	MIR548AU	chr7:77646373-79100524	0	1
XLOC_021137	XLOC_021137	GNAT3	chr7:80087986-80141242	0	1
XLOC_021148	XLOC_021148	ABCB4	chr7:87031360-87105019	0	1
XLOC_021149	XLOC_021149	ABCB1	chr7:87133178-87461613	0	1
XLOC_021152	XLOC_021152	STEAP4	chr7:87905743-87936228	0	1
XLOC_021153	XLOC_021153	C7orf62	chr7:88388752-88966346	0	1
XLOC_021154	XLOC_021154	MTERF	chr7:91502020-91510016	0	1
XLOC_021165	XLOC_021165	MIR653	chr7:93053798-93204042	0	1
XLOC_021166	XLOC_021166	MIR489	chr7:93053798-93204042	0	1
XLOC_021167	XLOC_021167	TFPI2	chr7:93514708-93520303	0	1
XLOC_021175	XLOC_021175	MIR591	chr7:95749531-95951459	0	1
XLOC_021176	XLOC_021176	C7orf76	chr7:96110937-96132835	0	1
XLOC_021179	XLOC_021179	DLX6-AS1	chr7:96597826-96643377	0	1
XLOC_021180	XLOC_021180	DLX5	chr7:96649701-96654143	0	1
XLOC_021183	XLOC_021183	OCM2	chr7:97614012-97619416	0	1
XLOC_021203	XLOC_021203	MIR93	chr7:99690403-99723128	0	1
XLOC_021204	XLOC_021204	MIR106B	chr7:99690403-99723128	0	1
XLOC_021246	XLOC_021246	LHFPL3-AS1	chr7:103969103-104567092	0	1
XLOC_021247	XLOC_021247	LHFPL3-AS2	chr7:103969103-104567092	0	1
XLOC_021261	XLOC_021261	LAMB4	chr7:107663995-107770801	0	1
XLOC_021262	XLOC_021262	NRCAM	chr7:107788070-108096841	0	1
XLOC_021265	XLOC_021265	C7orf66	chr7:108524037-108524637	0	1
XLOC_021266	XLOC_021266	E1F3IP1	chr7:109599283-109600270	0	1
XLOC_021273	XLOC_021273	PPP1R3A	chr7:113516881-113559082	0	1
XLOC_021274	XLOC_021274	TFEC	chr7:115575201-115670867	0	1
XLOC_021276	XLOC_021276	ST7-AS2	chr7:116592500-116870075	0	1
XLOC_021277	XLOC_021277	WNT2	chr7:116916685-116963343	0	1
XLOC_021287	XLOC_021287	TAS2R16	chr7:122634758-122635754	0	1
XLOC_021292	XLOC_021292	TMEM229A	chr7:123670969-123673523	0	1
XLOC_021293	XLOC_021293	GPR37	chr7:124385654-124406079	0	1
XLOC_021294	XLOC_021294	LOC154872	chr7:124417345-124430864	0	1
XLOC_021297	XLOC_021297	MIR592	chr7:126078651-126892428	0	1
XLOC_021300	XLOC_021300	PAX4	chr7:127250345-127255780	0	1
XLOC_021309	XLOC_021309	MIR182	chr7:129410222-129410332	0	1
XLOC_021310	XLOC_021310	MIR96	chr7:129414532-129414609	0	1
XLOC_021311	XLOC_021311	MIR183	chr7:129414744-129414854	0	1
XLOC_021318	XLOC_021318	KLF14	chr7:130417395-130418888	0	1
XLOC_021319	XLOC_021319	MIR29A	chr7:130561505-130561569	0	1

XLOC_021320	XLOC_021320	MIR29B1	chr7:130562217-130562298	0	1
XLOC_021324	XLOC_021324	PLXNA4	chr7:131808090-132333447	0	1
XLOC_021332	XLOC_021332	FAM180A	chr7:135414345-135433594	0	1
XLOC_021334	XLOC_021334	LOC349160	chr7:136553398-136849088	0	1
XLOC_021338	XLOC_021338	SVOPL	chr7:138279029-138363790	0	1
XLOC_021344	XLOC_021344	KLRG2	chr7:139138087-139168457	0	1
XLOC_021357	XLOC_021357	CLEC5A	chr7:141627156-141646783	0	1
XLOC_021358	XLOC_021358	TAS2R38	chr7:141672430-141673573	0	1
XLOC_021359	XLOC_021359	MOXD2P	chr7:141940555-141946886	0	1
XLOC_021360	XLOC_021360	PRSS58	chr7:141951957-141957878	0	1
XLOC_021361	XLOC_021361	LOC730441	chr7:141968100-141972068	0	1
XLOC_021363	XLOC_021363	TRPV5	chr7:142605647-142630820	0	1
XLOC_021365	XLOC_021365	OR9A2	chr7:142723286-142724219	0	1
XLOC_021373	XLOC_021373	RNU6-57	chr7:143906939-143906966	0	1
XLOC_021378	XLOC_021378	NOBOX	chr7:144094332-144107320	0	1
XLOC_021380	XLOC_021380	MIR548I4	chr7:145813452-148118088	0	1
XLOC_021381	XLOC_021381	MIR548F4	chr7:145813452-148118088	0	1
XLOC_021392	XLOC_021392	RARRES2	chr7:150035406-150038763	0	1
XLOC_021400	XLOC_021400	GBX1	chr7:150845675-150864867	0	1
XLOC_021401	XLOC_021401	ASB10	chr7:150872784-150884919	0	1
XLOC_021404	XLOC_021404	WDR86	chr7:151078206-151110132	0	1
XLOC_021406	XLOC_021406	MIR3907	chr7:151127055-151137099	0	1
XLOC_021412	XLOC_021412	LOC100128264	chr7:154858778-154879102	0	1
XLOC_021414	XLOC_021414	SHH	chr7:155595557-155604967	0	1
XLOC_021420	XLOC_021420	MIR153-2	chr7:157331749-158380482	0	1
XLOC_021421	XLOC_021421	MIR595	chr7:157331749-158380482	0	1
XLOC_021428	XLOC_021428	ERICH1-AS1	chr8:687586-1087777	0	1
XLOC_021429	XLOC_021429	DLGAP2	chr8:1449568-1656642	0	1
XLOC_021431	XLOC_021431	MIR596	chr8:1765396-1765473	0	1
XLOC_021437	XLOC_021437	MIR4659A	chr8:6565877-6619021	0	1
XLOC_021438	XLOC_021438	LOC100652791	chr8:6666040-6699975	0	1
XLOC_021439	XLOC_021439	DEFB109P1B	chr8:7159132-7212876	0	1
XLOC_021440	XLOC_021440	USP17L1P	chr8:7159132-7212876	0	1
XLOC_021441	XLOC_021441	USP17L4	chr8:7159132-7212876	0	1
XLOC_021442	XLOC_021442	DEFB105B	chr8:7345242-7347073	0	1
XLOC_021443	XLOC_021443	DEFB107A	chr8:7353367-7366833	0	1
XLOC_021444	XLOC_021444	FAM90A10P	chr8:7627105-7628835	0	1
XLOC_021445	XLOC_021445	DEFB106B	chr8:7682693-7686575	0	1
XLOC_021446	XLOC_021446	DEFB104B	chr8:7693992-7698764	0	1
XLOC_021447	XLOC_021447	SPAG11A, SPAG11B	chr8:7705401-7721319	0	1
XLOC_021448	XLOC_021448	DEFB103A, DEFB103B	chr8:7738725-7740180	0	1
XLOC_021449	XLOC_021449	DEFB4A	chr8:7752198-7754237	0	1
XLOC_021450	XLOC_021450	ZNF705B	chr8:7783858-7809935	0	1
XLOC_021451	XLOC_021451	FAM66E	chr8:7812534-7866277	0	1
XLOC_021455	XLOC_021455	MIR4660	chr8:8905954-8906028	0	1
XLOC_021458	XLOC_021458	MIR597	chr8:9413444-9639856	0	1
XLOC_021461	XLOC_021461	C8orf74	chr8:10530146-10558103	0	1
XLOC_021465	XLOC_021465	BLK	chr8:11351520-11422108	0	1
XLOC_021466	XLOC_021466	LINC00208	chr8:11434043-11438850	0	1
XLOC_021471	XLOC_021471	ZNF705D	chr8:11946846-11973025	0	1
XLOC_021472	XLOC_021472	FAM66D	chr8:11973290-12008698	0	1
XLOC_021473	XLOC_021473	FAM66A	chr8:12219527-12268510	0	1
XLOC_021475	XLOC_021475	MIR3926-2	chr8:12579405-12612992	0	1
XLOC_021478	XLOC_021478	TUSC3	chr8:15397595-15624158	0	1
XLOC_021479	XLOC_021479	EFHA2	chr8:16884746-16980148	0	1
XLOC_021489	XLOC_021489	LPL	chr8:19796581-19824770	0	1
XLOC_021491	XLOC_021491	LZTS1-AS1	chr8:20133283-20147969	0	1
XLOC_021492	XLOC_021492	LOC286114	chr8:20831496-20852630	0	1
XLOC_021516	XLOC_021516	ADAM28	chr8:24151579-24212726	0	1
XLOC_021517	XLOC_021517	ADAMDEC1	chr8:24241797-24263526	0	1
XLOC_021518	XLOC_021518	ADAM7	chr8:24298508-24367077	0	1
XLOC_021519	XLOC_021519	NEFM	chr8:24771273-24776606	0	1
XLOC_021528	XLOC_021528	MIR3622A	chr8:27559189-27559284	0	1
XLOC_021531	XLOC_021531	PNOC	chr8:28174648-28200868	0	1
XLOC_021535	XLOC_021535	LOC286135	chr8:29779028-29811123	0	1
XLOC_021542	XLOC_021542	NRG1	chr8:31497267-32622558	0	1
XLOC_021543	XLOC_021543	NRG1-IT3	chr8:31497267-32622558	0	1
XLOC_021545	XLOC_021545	UNC5D	chr8:35092974-35652181	0	1
XLOC_021546	XLOC_021546	KCNU1	chr8:36641841-36793643	0	1
XLOC_021561	XLOC_021561	ADAM5	chr8:39172181-39260375	0	1
XLOC_021562	XLOC_021562	LOC100130964	chr8:39420630-39437653	0	1
XLOC_021563	XLOC_021563	ADAM18	chr8:39442086-39587583	0	1
XLOC_021565	XLOC_021565	IDO2	chr8:39792473-39873910	0	1
XLOC_021566	XLOC_021566	C8orf4	chr8:40010986-40012827	0	1
XLOC_021575	XLOC_021575	CHRNA3	chr8:42552561-42592209	0	1
XLOC_021580	XLOC_021580	POTEA	chr8:43147584-43218328	0	1
XLOC_021581	XLOC_021581	LINC00293	chr8:47752507-47767407	0	1
XLOC_021586	XLOC_021586	C8orf22	chr8:49966894-49988642	0	1
XLOC_021587	XLOC_021587	SNTG1	chr8:50824596-51705427	0	1

XLOC_021588	XLOC_021588	NPBWR1	chr8:53852467-53853454	0	1
XLOC_021592	XLOC_021592	RP1	chr8:55528626-55543394	0	1
XLOC_021593	XLOC_021593	XKR4	chr8:56015016-56438710	0	1
XLOC_021597	XLOC_021597	LOC100507651	chr8:58131647-58145388	0	1
XLOC_021598	XLOC_021598	LOC286177	chr8:58173784-58179170	0	1
XLOC_021599	XLOC_021599	LINC00588	chr8:58192101-58197290	0	1
XLOC_021606	XLOC_021606	MIR4470	chr8:62627346-62627418	0	1
XLOC_021607	XLOC_021607	NKAIN3	chr8:63161500-63903628	0	1
XLOC_021608	XLOC_021608	UG0898H09	chr8:63161500-63903628	0	1
XLOC_021611	XLOC_021611	LOC100130155	chr8:65285774-65291386	0	1
XLOC_021612	XLOC_021612	MIR124-2	chr8:65291705-65291814	0	1
XLOC_021613	XLOC_021613	BHLHE22	chr8:65492794-65496191	0	1
XLOC_021617	XLOC_021617	LOC100505659	chr8:67104348-67109554	0	1
XLOC_021624	XLOC_021624	PREX2	chr8:68864602-69143897	0	1
XLOC_021629	XLOC_021629	LOC100132891	chr8:72753776-72987819	0	1
XLOC_021630	XLOC_021630	RNU6-83	chr8:72753776-72987819	0	1
XLOC_021631	XLOC_021631	KCNB2	chr8:73449625-73850584	0	1
XLOC_021638	XLOC_021638	MIR5681A	chr8:75460777-75460852	0	1
XLOC_021639	XLOC_021639	FLJ39080	chr8:75512100-75670587	0	1
XLOC_021640	XLOC_021640	MIR2052	chr8:75512100-75670587	0	1
XLOC_021641	XLOC_021641	PI15	chr8:75736771-75767264	0	1
XLOC_021642	XLOC_021642	CRISPLD1	chr8:75896707-75946793	0	1
XLOC_021645	XLOC_021645	PKIA	chr8:79428335-79517502	0	1
XLOC_021648	XLOC_021648	MIR5708	chr8:81153623-81153708	0	1
XLOC_021649	XLOC_021649	ZBTB10	chr8:81398447-81434610	0	1
XLOC_021652	XLOC_021652	RALYL	chr8:85095452-85834078	0	1
XLOC_021658	XLOC_021658	REXO1L2P	chr8:86727072-86728150	0	1
XLOC_021659	XLOC_021659	REXO1L2P	chr8:86748526-86749604	0	1
XLOC_021663	XLOC_021663	CNBD1	chr8:87878675-88394955	0	1
XLOC_021667	XLOC_021667	LINC00534	chr8:91233715-91400187	0	1
XLOC_021671	XLOC_021671	MIR4661	chr8:92114846-92231464	0	1
XLOC_021681	XLOC_021681	MIR3150A	chr8:96085138-96085224	0	1
XLOC_021692	XLOC_021692	KCNS2	chr8:99439249-99443023	0	1
XLOC_021697	XLOC_021697	MIR4471	chr8:101394990-101395073	0	1
XLOC_021698	XLOC_021698	FLJ42969	chr8:102064281-102088479	0	1
XLOC_021699	XLOC_021699	NACAP1	chr8:102381120-102381823	0	1
XLOC_021700	XLOC_021700	GRHL2	chr8:102504667-102681952	0	1
XLOC_021701	XLOC_021701	MIR5680	chr8:103137659-103137743	0	1
XLOC_021702	XLOC_021702	ODF1	chr8:103563847-103573245	0	1
XLOC_021705	XLOC_021705	MIR3151	chr8:104145190-104242533	0	1
XLOC_021710	XLOC_021710	DCSTAMP	chr8:105352023-105368917	0	1
XLOC_021716	XLOC_021716	PKHD1L1	chr8:110374705-110543500	0	1
XLOC_021718	XLOC_021718	MIR2053	chr8:113235158-114449242	0	1
XLOC_021721	XLOC_021721	AARD	chr8:117950463-117956239	0	1
XLOC_021722	XLOC_021722	SLC30A8	chr8:117962511-118188953	0	1
XLOC_021726	XLOC_021726	MAL2	chr8:120220609-120257914	0	1
XLOC_021729	XLOC_021729	COL14A1	chr8:121137346-121384273	0	1
XLOC_021737	XLOC_021737	FER1L6	chr8:124864226-125132302	0	1
XLOC_021741	XLOC_021741	LOC157381	chr8:125954249-125963337	0	1
XLOC_021749	XLOC_021749	MIR1204	chr8:128808207-128808274	0	1
XLOC_021751	XLOC_021751	MIR1205	chr8:128902873-129113499	0	1
XLOC_021752	XLOC_021752	MIR1206	chr8:128902873-129113499	0	1
XLOC_021753	XLOC_021753	MIR1207	chr8:128902873-129113499	0	1
XLOC_021754	XLOC_021754	MIR1208	chr8:129162361-129162434	0	1
XLOC_021758	XLOC_021758	WISP1	chr8:134203281-134243932	0	1
XLOC_021760	XLOC_021760	LOC286094	chr8:136246373-136311962	0	1
XLOC_021761	XLOC_021761	KHDRBS3	chr8:136469715-136659848	0	1
XLOC_021764	XLOC_021764	LOC731779	chr8:142350647-142354720	0	1
XLOC_021766	XLOC_021766	MIR4472-1	chr8:143257699-143257779	0	1
XLOC_021767	XLOC_021767	LINC00051	chr8:143279716-143290364	0	1
XLOC_021772	XLOC_021772	GML	chr8:143916216-143928262	0	1
XLOC_021796	XLOC_021796	SCXB	chr8:145321516-145323045	0	1
XLOC_021798	XLOC_021798	SCXA	chr8:145486055-145515120	0	1
XLOC_021812	XLOC_021812	OR4F21	chr8:116085-117024	0	1
XLOC_021816	XLOC_021816	LOC286083	chr8:1244293-1250827	0	1
XLOC_021817	XLOC_021817	CSMD1	chr8:2792874-4852328	0	1
XLOC_021820	XLOC_021820	MIR4659B	chr8:6565877-6619021	0	1
XLOC_021821	XLOC_021821	XKR5	chr8:6666040-6699975	0	1
XLOC_021822	XLOC_021822	DEFB1	chr8:6728096-6735529	0	1
XLOC_021824	XLOC_021824	DEFA4	chr8:6793344-6795786	0	1
XLOC_021825	XLOC_021825	DEFA8P	chr8:6808247-6809121	0	1
XLOC_021826	XLOC_021826	DEFA9P	chr8:6816810-6817683	0	1
XLOC_021827	XLOC_021827	DEFA10P	chr8:6825662-6826635	0	1
XLOC_021828	XLOC_021828	DEFA1B	chr8:6835170-6837614	0	1
XLOC_021829	XLOC_021829	DEFT1P2	chr8:6844699-6847243	0	1
XLOC_021830	XLOC_021830	DEFA1	chr8:6854287-6856724	0	1
XLOC_021831	XLOC_021831	DEFT1P2	chr8:6863802-6866346	0	1
XLOC_021832	XLOC_021832	DEFA1	chr8:6873390-6875823	0	1
XLOC_021833	XLOC_021833	DEFA11P	chr8:6886122-6887011	0	1

XLOC_021835	XLOC_021835	LOC349196	chr8:7118140-7121014	0	1
XLOC_021836	XLOC_021836	LOC349196	chr8:7125762-7128636	0	1
XLOC_021837	XLOC_021837	LOC349196	chr8:7141006-7143880	0	1
XLOC_021838	XLOC_021838	FAM66B	chr8:7159132-7212876	0	1
XLOC_021839	XLOC_021839	ZNF705G	chr8:7215497-7220490	0	1
XLOC_021840	XLOC_021840	DEFB4B	chr8:7272384-7274354	0	1
XLOC_021841	XLOC_021841	DEFB103A,DEFB103B	chr8:7286415-7287870	0	1
XLOC_021842	XLOC_021842	SPAG11B	chr8:7305275-7321192	0	1
XLOC_021843	XLOC_021843	DEFB104A	chr8:7327829-7332604	0	1
XLOC_021844	XLOC_021844	DEFB106B	chr8:7340025-7343909	0	1
XLOC_021845	XLOC_021845	FAM90A7P	chr8:7413659-7416626	0	1
XLOC_021846	XLOC_021846	FAM90A7P	chr8:7421309-7431920	0	1
XLOC_021847	XLOC_021847	DEFB107B	chr8:7669241-7673238	0	1
XLOC_021848	XLOC_021848	DEFB105A	chr8:7679529-7681360	0	1
XLOC_021849	XLOC_021849	USP17L8	chr8:7812534-7866277	0	1
XLOC_021851	XLOC_021851	DEFB109P1B	chr8:7812534-7866277	0	1
XLOC_021852	XLOC_021852	MIR548I3	chr8:7946462-7946611	0	1
XLOC_021856	XLOC_021856	LINC00599	chr8:9757573-9760839	0	1
XLOC_021857	XLOC_021857	MIR124-1	chr8:9760897-9760982	0	1
XLOC_021861	XLOC_021861	MIR1322	chr8:10622883-10697299	0	1
XLOC_021863	XLOC_021863	MIR598	chr8:10753656-11058875	0	1
XLOC_021868	XLOC_021868	LOC100133267	chr8:11921897-11929256	0	1
XLOC_021869	XLOC_021869	LOC392196	chr8:11973290-12008698	0	1
XLOC_021870	XLOC_021870	USP17L7	chr8:11973290-12008698	0	1
XLOC_021871	XLOC_021871	USP17L2	chr8:11973290-12008698	0	1
XLOC_021874	XLOC_021874	DEFB130	chr8:12168470-12175825	0	1
XLOC_021875	XLOC_021875	LOC649352	chr8:12219527-12268510	0	1
XLOC_021876	XLOC_021876	DEFB109P1	chr8:12219527-12268510	0	1
XLOC_021881	XLOC_021881	MIR3926-1	chr8:12579405-12612992	0	1
XLOC_021882	XLOC_021882	LOC340357	chr8:12623570-12668910	0	1
XLOC_021885	XLOC_021885	MIR383	chr8:13947372-15095792	0	1
XLOC_021887	XLOC_021887	FGF20	chr8:16850333-16859674	0	1
XLOC_021891	XLOC_021891	FGL1	chr8:17721899-17753047	0	1
XLOC_021894	XLOC_021894	LOC100128993	chr8:19041185-19103032	0	1
XLOC_021896	XLOC_021896	SLC18A1	chr8:20002365-20040717	0	1
XLOC_021897	XLOC_021897	LZTS1	chr8:20103675-20112803	0	1
XLOC_021898	XLOC_021898	GFRA2	chr8:21549529-21646346	0	1
XLOC_021903	XLOC_021903	LGI3	chr8:22004342-22014344	0	1
XLOC_021909	XLOC_021909	PEBP4	chr8:22570764-22785421	0	1
XLOC_021916	XLOC_021916	NKX2-6	chr8:23559963-23564111	0	1
XLOC_021918	XLOC_021918	NEFL	chr8:24808468-24814383	0	1
XLOC_021921	XLOC_021921	EBF2	chr8:25699245-25902640	0	1
XLOC_021926	XLOC_021926	CHRNA2	chr8:27317277-27336813	0	1
XLOC_021928	XLOC_021928	MIR3622B	chr8:27559189-27559284	0	1
XLOC_021932	XLOC_021932	MIR4287	chr8:27727398-27850369	0	1
XLOC_021936	XLOC_021936	MIR4288	chr8:28351721-28431785	0	1
XLOC_021940	XLOC_021940	LINC00589	chr8:29578775-29605625	0	1
XLOC_021941	XLOC_021941	MIR3148	chr8:29814787-29814864	0	1
XLOC_021942	XLOC_021942	MIR548O2	chr8:29920257-30108213	0	1
XLOC_021949	XLOC_021949	TEX15	chr8:30689059-30706533	0	1
XLOC_021954	XLOC_021954	DUSP26	chr8:33448853-33457439	0	1
XLOC_021958	XLOC_021958	GOT1L1	chr8:37791799-37797647	0	1
XLOC_021959	XLOC_021959	ADRB3	chr8:37820513-37824184	0	1
XLOC_021965	XLOC_021965	C8orf86	chr8:38368351-38386180	0	1
XLOC_021968	XLOC_021968	ADAM3A	chr8:39308563-39380508	0	1
XLOC_021969	XLOC_021969	ADAM2	chr8:39601254-39695779	0	1
XLOC_021970	XLOC_021970	ZMAT4	chr8:40388110-40755343	0	1
XLOC_021971	XLOC_021971	SFRP1	chr8:41119475-41166990	0	1
XLOC_021972	XLOC_021972	NKX6-3	chr8:41503828-41504878	0	1
XLOC_021974	XLOC_021974	MIR486	chr8:41510743-41754280	0	1
XLOC_021979	XLOC_021979	CHRNA6	chr8:42607779-42623929	0	1
XLOC_021984	XLOC_021984	EFCAB1	chr8:49627473-49647870	0	1
XLOC_021995	XLOC_021995	SBF1P1	chr8:56015016-56438710	0	1
XLOC_021998	XLOC_021998	SNORD54	chr8:56980738-56987140	0	1
XLOC_021999	XLOC_021999	MOS	chr8:57025500-57026541	0	1
XLOC_022001	XLOC_022001	SDR16C5	chr8:57212569-57233241	0	1
XLOC_022002	XLOC_022002	PENK	chr8:57353512-57359282	0	1
XLOC_022003	XLOC_022003	LOC100507632	chr8:57430877-57472382	0	1
XLOC_022005	XLOC_022005	CYP7A1	chr8:59402736-59412720	0	1
XLOC_022007	XLOC_022007	TOX	chr8:59717976-60031767	0	1
XLOC_022008	XLOC_022008	CA8	chr8:61101422-61193954	0	1
XLOC_022009	XLOC_022009	LOC100130298	chr8:61878679-61880307	0	1
XLOC_022013	XLOC_022013	LOC401463	chr8:65486865-65489820	0	1
XLOC_022014	XLOC_022014	CYP7B1	chr8:65508528-65711348	0	1
XLOC_022015	XLOC_022015	LINC00251	chr8:66073379-66092575	0	1
XLOC_022019	XLOC_022019	CRH	chr8:67088611-67090846	0	1
XLOC_022023	XLOC_022023	PTTG3P	chr8:67579786-67774257	0	1
XLOC_022025	XLOC_022025	SNORD87	chr8:67782983-67837777	0	1
XLOC_022026	XLOC_022026	TCF24	chr8:67858735-67874825	0	1

XLOC_022027	XLOC_022027	PPP1R42	chr8:67900366-67940786	0	1
XLOC_022030	XLOC_022030	CPA6	chr8:68334404-68658620	0	1
XLOC_022031	XLOC_022031	LOC286189	chr8:69215702-69731258	0	1
XLOC_022038	XLOC_022038	EYA1	chr8:72109667-72274467	0	1
XLOC_022039	XLOC_022039	MSC	chr8:72753776-72987819	0	1
XLOC_022040	XLOC_022040	TRPA1	chr8:72753776-72987819	0	1
XLOC_022041	XLOC_022041	LOC392232	chr8:73117533-73163869	0	1
XLOC_022049	XLOC_022049	MIR5681B	chr8:75460777-75460852	0	1
XLOC_022050	XLOC_022050	ZFHx4-AS1	chr8:77523113-77779521	0	1
XLOC_022058	XLOC_022058	PMP2	chr8:82352563-82359719	0	1
XLOC_022059	XLOC_022059	FABP9	chr8:82370617-82373758	0	1
XLOC_022060	XLOC_022060	FABP4	chr8:82390731-82395473	0	1
XLOC_022067	XLOC_022067	CA1	chr8:86240457-86290342	0	1
XLOC_022068	XLOC_022068	REXO1L2P	chr8:86566827-86567905	0	1
XLOC_022069	XLOC_022069	REXO1L1	chr8:86568694-86575726	0	1
XLOC_022070	XLOC_022070	REXO1L2P	chr8:86756683-86757761	0	1
XLOC_022071	XLOC_022071	REXO1L1	chr8:86758550-86789306	0	1
XLOC_022072	XLOC_022072	REXO1L2P	chr8:86758550-86789306	0	1
XLOC_022073	XLOC_022073	REXO1L2P	chr8:86802519-86803597	0	1
XLOC_022074	XLOC_022074	REXO1L2P	chr8:86814712-86815790	0	1
XLOC_022075	XLOC_022075	REXO1L2P	chr8:86839093-86840171	0	1
XLOC_022076	XLOC_022076	PSKH2	chr8:87060690-87081851	0	1
XLOC_022077	XLOC_022077	SLC7A13	chr8:87226287-87242604	0	1
XLOC_022079	XLOC_022079	CNGB3	chr8:87586162-87755903	0	1
XLOC_022081	XLOC_022081	MMP16	chr8:89049459-89339717	0	1
XLOC_022083	XLOC_022083	CALB1	chr8:91070837-91095107	0	1
XLOC_022088	XLOC_022088	FLJ46284	chr8:93725189-93798288	0	1
XLOC_022090	XLOC_022090	C8orf87	chr8:94146323-94179079	0	1
XLOC_022093	XLOC_022093	MIR378D2	chr8:94928249-94928347	0	1
XLOC_022098	XLOC_022098	LOC100288748	chr8:95649512-95651695	0	1
XLOC_022101	XLOC_022101	MIR3150B	chr8:96085138-96085224	0	1
XLOC_022102	XLOC_022102	C8orf69	chr8:96219234-96228602	0	1
XLOC_022104	XLOC_022104	LOC100500773	chr8:96959212-96960576	0	1
XLOC_022108	XLOC_022108	TSPYL5	chr8:98285713-98290176	0	1
XLOC_022114	XLOC_022114	MIR599	chr8:100025493-100889814	0	1
XLOC_022115	XLOC_022115	MIR875	chr8:100025493-100889814	0	1
XLOC_022117	XLOC_022117	RGS22	chr8:100973275-101118344	0	1
XLOC_022133	XLOC_022133	DPYS	chr8:105391651-105479277	0	1
XLOC_022136	XLOC_022136	ANGPT1	chr8:108261709-108510254	0	1
XLOC_022137	XLOC_022137	RSPO2	chr8:108911543-109095913	0	1
XLOC_022142	XLOC_022142	KCNV1	chr8:110979232-110986959	0	1
XLOC_022145	XLOC_022145	LINC00536	chr8:116962735-117337297	0	1
XLOC_022150	XLOC_022150	TNFRSF11B	chr8:119935795-119964383	0	1
XLOC_022159	XLOC_022159	MIR4663	chr8:124228027-124228103	0	1
XLOC_022164	XLOC_022164	ANXA13	chr8:124693033-124749647	0	1
XLOC_022165	XLOC_022165	FER1L6-AS1	chr8:124864226-125132302	0	1
XLOC_022172	XLOC_022172	LOC727677	chr8:128455594-128494384	0	1
XLOC_022173	XLOC_022173	LOC728724	chr8:130228712-130253486	0	1
XLOC_022174	XLOC_022174	GSDMC	chr8:130760441-130799134	0	1
XLOC_022176	XLOC_022176	MIR5194	chr8:130851838-131028897	0	1
XLOC_022180	XLOC_022180	ADCY8	chr8:131792546-132052835	0	1
XLOC_022181	XLOC_022181	OC90	chr8:133036466-133071627	0	1
XLOC_022182	XLOC_022182	HHLA1	chr8:133073732-133117512	0	1
XLOC_022187	XLOC_022187	SLA	chr8:133879204-134147143	0	1
XLOC_022191	XLOC_022191	MIR30B	chr8:135812762-135812850	0	1
XLOC_022192	XLOC_022192	MIR30D	chr8:135817118-135817188	0	1
XLOC_022193	XLOC_022193	FAM135B	chr8:139142265-139509065	0	1
XLOC_022194	XLOC_022194	COL22A1	chr8:139600477-139926236	0	1
XLOC_022200	XLOC_022200	GPR20	chr8:142366586-142377365	0	1
XLOC_022201	XLOC_022201	MROH5	chr8:142443928-142517330	0	1
XLOC_022206	XLOC_022206	SLURP1	chr8:143822361-143823829	0	1
XLOC_022207	XLOC_022207	LYPD2	chr8:143831627-143833952	0	1
XLOC_022209	XLOC_022209	LY6D	chr8:143866297-143868008	0	1
XLOC_022210	XLOC_022210	CYP11B1	chr8:143953772-143961236	0	1
XLOC_022211	XLOC_022211	CYP11B2	chr8:143991974-143999259	0	1
XLOC_022213	XLOC_022213	LY6H	chr8:144239330-144242053	0	1
XLOC_022225	XLOC_022225	MIR4664	chr8:144806102-144815914	0	1
XLOC_022231	XLOC_022231	MIR661	chr8:144989320-145050913	0	1
XLOC_022261	XLOC_022261	DMRT3	chr9:976967-991732	0	1
XLOC_022264	XLOC_022264	VLDLR	chr9:2535654-2654485	0	1
XLOC_022271	XLOC_022271	MIR101-2	chr9:4792833-4861064	0	1
XLOC_022273	XLOC_022273	INSL4	chr9:5231418-5233967	0	1
XLOC_022275	XLOC_022275	PDCD1LG2	chr9:5510544-5571282	0	1
XLOC_022278	XLOC_022278	MIR4665	chr9:5919007-6008003	0	1
XLOC_022279	XLOC_022279	IL33	chr9:6215785-6257983	0	1
XLOC_022280	XLOC_022280	TPD5L3	chr9:6328348-6331900	0	1
XLOC_022285	XLOC_022285	LINC00583	chr9:13927969-13945606	0	1
XLOC_022286	XLOC_022286	LOC389705	chr9:14993324-15019722	0	1
XLOC_022292	XLOC_022292	MIR3152	chr9:18474078-18910947	0	1

XLOC_022297	XLOC_022297	MIR491	chr9:20658308-20995954	0	1
XLOC_022299	XLOC_022299	IFNA1	chr9:21440452-21441135	0	1
XLOC_022301	XLOC_022301	C9orf53	chr9:21967137-21994490	0	1
XLOC_022303	XLOC_022303	DMRTA1	chr9:22446839-22452472	0	1
XLOC_022308	XLOC_022308	IFNK	chr9:27325206-27529850	0	1
XLOC_022311	XLOC_022311	TMEM215	chr9:32783496-32789199	0	1
XLOC_022313	XLOC_022313	SPINK4	chr9:33240195-33248565	0	1
XLOC_022320	XLOC_022320	SNORD121B	chr9:33921690-34048947	0	1
XLOC_022324	XLOC_022324	LOC415056	chr9:34551429-34590138	0	1
XLOC_022334	XLOC_022334	MIR4667	chr9:35605280-35618424	0	1
XLOC_022344	XLOC_022344	RECK	chr9:36036909-36124452	0	1
XLOC_022345	XLOC_022345	GLIPR2	chr9:36136741-36163903	0	1
XLOC_022358	XLOC_022358	SPATA31A2	chr9:39355698-39361959	0	1
XLOC_022359	XLOC_022359	SPATA31A2	chr9:39884974-39891210	0	1
XLOC_022360	XLOC_022360	FAM74A1	chr9:39900199-39907240	0	1
XLOC_022361	XLOC_022361	SPATA31A3	chr9:40700290-40706537	0	1
XLOC_022362	XLOC_022362	FAM74A3	chr9:40715523-40722679	0	1
XLOC_022363	XLOC_022363	SPATA31A5	chr9:41500678-41506925	0	1
XLOC_022364	XLOC_022364	LOC643648	chr9:41958801-42019584	0	1
XLOC_022366	XLOC_022366	FAM95B1	chr9:42468588-42474238	0	1
XLOC_022367	XLOC_022367	FOXDL4	chr9:42717233-42720342	0	1
XLOC_022369	XLOC_022369	CNTNAP3B	chr9:43684884-43922473	0	1
XLOC_022370	XLOC_022370	LOC643648	chr9:44387386-44391416	0	1
XLOC_022372	XLOC_022372	FAM27A	chr9:45727028-45728283	0	1
XLOC_022374	XLOC_022374	LOC643648	chr9:46829289-46833319	0	1
XLOC_022378	XLOC_022378	ANKRD20A4	chr9:69381980-69425109	0	1
XLOC_022388	XLOC_022388	C9orf135	chr9:72435730-72521148	0	1
XLOC_022393	XLOC_022393	TMC1	chr9:75136716-75451267	0	1
XLOC_022395	XLOC_022395	RORB	chr9:77112251-77302117	0	1
XLOC_022400	XLOC_022400	PCA3	chr9:79226291-79521003	0	1
XLOC_022401	XLOC_022401	FOXB2	chr9:79634570-79635869	0	1
XLOC_022406	XLOC_022406	SPATA31D5P	chr9:84528351-84534842	0	1
XLOC_022407	XLOC_022407	SPATA31D4	chr9:84543342-84549913	0	1
XLOC_022408	XLOC_022408	SPATA31D3	chr9:84558414-84565009	0	1
XLOC_022409	XLOC_022409	SPATA31D1	chr9:84603686-84610171	0	1
XLOC_022416	XLOC_022416	C9orf170	chr9:89763558-89774641	0	1
XLOC_022419	XLOC_022419	CTSL3P	chr9:90387386-90401799	0	1
XLOC_022420	XLOC_022420	CTSL1P8	chr9:90459659-90462339	0	1
XLOC_022421	XLOC_022421	SPATA31E1	chr9:90497771-90503814	0	1
XLOC_022422	XLOC_022422	SPATA31C1	chr9:90532876-90538572	0	1
XLOC_022427	XLOC_022427	MIR3153	chr9:91926112-91931618	0	1
XLOC_022430	XLOC_022430	UNQ6494	chr9:92254697-92334674	0	1
XLOC_022432	XLOC_022432	MIR3910-1	chr9:94398532-94398643	0	1
XLOC_022434	XLOC_022434	LINC00475	chr9:94903748-94921890	0	1
XLOC_022439	XLOC_022439	SUSD3	chr9:95820988-95847415	0	1
XLOC_022444	XLOC_022444	MIR4291	chr9:96581638-96581703	0	1
XLOC_022446	XLOC_022446	MIRLET7A1	chr9:96938238-96938318	0	1
XLOC_022447	XLOC_022447	MIRLET7F1	chr9:96938628-96938715	0	1
XLOC_022453	XLOC_022453	MIR2278	chr9:97488950-97849500	0	1
XLOC_022454	XLOC_022454	MIR23B	chr9:97488950-97849500	0	1
XLOC_022455	XLOC_022455	MIR27B	chr9:97488950-97849500	0	1
XLOC_022456	XLOC_022456	MIR24-1	chr9:97488950-97849500	0	1
XLOC_022461	XLOC_022461	LOC441455	chr9:99488102-99489749	0	1
XLOC_022469	XLOC_022469	FOXE1	chr9:100615536-100618997	0	1
XLOC_022473	XLOC_022473	COL15A1	chr9:101706137-101833068	0	1
XLOC_022481	XLOC_022481	LPPR1	chr9:103791030-104087417	0	1
XLOC_022484	XLOC_022484	CYLC2	chr9:105757592-105780770	0	1
XLOC_022486	XLOC_022486	OR13F1	chr9:107266543-107267503	0	1
XLOC_022487	XLOC_022487	OR13C8	chr9:107331448-107332411	0	1
XLOC_022488	XLOC_022488	OR13D1	chr9:107456702-107457743	0	1
XLOC_022502	XLOC_022502	MUSK	chr9:113431050-113563278	0	1
XLOC_022506	XLOC_022506	MIR4668	chr9:114659205-114695433	0	1
XLOC_022514	XLOC_022514	BSPRY	chr9:116111811-116133513	0	1
XLOC_022519	XLOC_022519	MIR455	chr9:116918230-117072975	0	1
XLOC_022524	XLOC_022524	DEC1	chr9:117904096-118164923	0	1
XLOC_022526	XLOC_022526	LOC100128505	chr9:119187503-120177317	0	1
XLOC_022528	XLOC_022528	TLR4	chr9:120466452-120479769	0	1
XLOC_022537	XLOC_022537	OR1J2	chr9:125273080-125274022	0	1
XLOC_022538	XLOC_022538	OR1J4	chr9:125281419-125282361	0	1
XLOC_022539	XLOC_022539	OR1N2	chr9:125315448-125316441	0	1
XLOC_022541	XLOC_022541	OR1L1	chr9:125423994-125424927	0	1
XLOC_022542	XLOC_022542	OR1L3	chr9:125437408-125438383	0	1
XLOC_022543	XLOC_022543	OR1L4	chr9:125486268-125487204	0	1
XLOC_022545	XLOC_022545	OR5C1	chr9:125551211-125552174	0	1
XLOC_022546	XLOC_022546	OR1K1	chr9:125562401-125563352	0	1
XLOC_022550	XLOC_022550	LHX2	chr9:126773888-126795442	0	1
XLOC_022553	XLOC_022553	GPR144	chr9:127213422-127239379	0	1
XLOC_022554	XLOC_022554	MIR181A2HG	chr9:127284702-127533576	0	1
XLOC_022555	XLOC_022555	MIR181A2	chr9:127284702-127533576	0	1

XLOC_022556	XLOC_022556	MIR181B2	chr9:127284702-127533576	0	1
XLOC_022575	XLOC_022575	MIR2861,MIR3960	chr9:130548111-130548286	0	1
XLOC_022587	XLOC_022587	MIR2964A	chr9:131154896-131154993	0	1
XLOC_022603	XLOC_022603	C9orf106	chr9:132083294-132084882	0	1
XLOC_022606	XLOC_022606	PRRX2	chr9:132427919-132484951	0	1
XLOC_022621	XLOC_022621	SNORD62A	chr9:134305476-134375575	0	1
XLOC_022622	XLOC_022622	SNORD62B	chr9:134305476-134375575	0	1
XLOC_022632	XLOC_022632	CELP	chr9:135957925-135962478	0	1
XLOC_022634	XLOC_022634	SNORD24	chr9:136215068-136218280	0	1
XLOC_022635	XLOC_022635	SNORD36B	chr9:136215068-136218280	0	1
XLOC_022636	XLOC_022636	SNORD36A	chr9:136215068-136218280	0	1
XLOC_022637	XLOC_022637	SNORD36C	chr9:136215068-136218280	0	1
XLOC_022643	XLOC_022643	DBH	chr9:136501484-136524466	0	1
XLOC_022647	XLOC_022647	MIR4669	chr9:137218315-137332431	0	1
XLOC_022649	XLOC_022649	FCN2	chr9:137772657-137779366	0	1
XLOC_022650	XLOC_022650	OLFM1	chr9:137967088-138013030	0	1
XLOC_022651	XLOC_022651	LOC401557	chr9:138073454-138079152	0	1
XLOC_022652	XLOC_022652	C9orf62	chr9:138235094-138238404	0	1
XLOC_022656	XLOC_022656	OBP2A	chr9:138437984-138441815	0	1
XLOC_022659	XLOC_022659	LCN9	chr9:138555167-138557755	0	1
XLOC_022665	XLOC_022665	MIR126	chr9:139553307-139567130	0	1
XLOC_022671	XLOC_022671	MIR4292	chr9:139690789-139735639	0	1
XLOC_022676	XLOC_022676	MIR4479	chr9:139780964-139821067	0	1
XLOC_022679	XLOC_022679	PTGDS	chr9:139871955-139876194	0	1
XLOC_022680	XLOC_022680	LCNL1	chr9:139877444-139880210	0	1
XLOC_022700	XLOC_022700	MIR602	chr9:140732870-140732968	0	1
XLOC_022705	XLOC_022705	FAM138C	chr9:34393-35864	0	1
XLOC_022715	XLOC_022715	INSL6	chr9:5163862-5185618	0	1
XLOC_022724	XLOC_022724	PTPRD	chr9:8314245-10612723	0	1
XLOC_022725	XLOC_022725	MPDZ	chr9:13105702-13279563	0	1
XLOC_022729	XLOC_022729	CER1	chr9:14719731-14722715	0	1
XLOC_022730	XLOC_022730	FREM1	chr9:14734663-14910993	0	1
XLOC_022742	XLOC_022742	MIR4473	chr9:20344967-20622514	0	1
XLOC_022743	XLOC_022743	MIR4474	chr9:20344967-20622514	0	1
XLOC_022745	XLOC_022745	IFNB1	chr9:21077103-21077943	0	1
XLOC_022746	XLOC_022746	IFNW1	chr9:21140630-21142144	0	1
XLOC_022747	XLOC_022747	IFNA21	chr9:21165635-21166659	0	1
XLOC_022748	XLOC_022748	IFNA4	chr9:21186617-21187598	0	1
XLOC_022749	XLOC_022749	IFNA7	chr9:21201467-21202204	0	1
XLOC_022750	XLOC_022750	IFNA10	chr9:21206179-21207142	0	1
XLOC_022751	XLOC_022751	IFNA16	chr9:21216371-21217310	0	1
XLOC_022753	XLOC_022753	IFNA14	chr9:21239200-21239978	0	1
XLOC_022754	XLOC_022754	IFNA22P	chr9:21277686-21278562	0	1
XLOC_022755	XLOC_022755	IFNA5	chr9:21304612-21305312	0	1
XLOC_022757	XLOC_022757	IFNA6	chr9:21350316-21350886	0	1
XLOC_022758	XLOC_022758	IFNA13	chr9:21367370-21368075	0	1
XLOC_022759	XLOC_022759	IFNA2	chr9:21384253-21385396	0	1
XLOC_022762	XLOC_022762	MIR31	chr9:21454266-21559697	0	1
XLOC_022765	XLOC_022765	ELAVL2	chr9:23690102-23826063	0	1
XLOC_022766	XLOC_022766	IZUMO3	chr9:24543212-24545674	0	1
XLOC_022775	XLOC_022775	LINGO2	chr9:27948083-29212998	0	1
XLOC_022776	XLOC_022776	MIR876	chr9:27948083-29212998	0	1
XLOC_022777	XLOC_022777	MIR873	chr9:27948083-29212998	0	1
XLOC_022778	XLOC_022778	LOC401497	chr9:30388932-30408452	0	1
XLOC_022782	XLOC_022782	TAF1L	chr9:32629451-32635667	0	1
XLOC_022787	XLOC_022787	AQP7	chr9:33384947-33402517	0	1
XLOC_022790	XLOC_022790	SUGT1P1	chr9:33504534-33511164	0	1
XLOC_022793	XLOC_022793	SNORD121A	chr9:33921690-34048947	0	1
XLOC_022805	XLOC_022805	CCL27	chr9:34652181-34662689	0	1
XLOC_022806	XLOC_022806	CCL19	chr9:34689566-34691274	0	1
XLOC_022807	XLOC_022807	CCL21	chr9:34709001-34710147	0	1
XLOC_022808	XLOC_022808	FAM205A	chr9:34723049-34729535	0	1
XLOC_022809	XLOC_022809	FAM205B	chr9:34830263-34838583	0	1
XLOC_022817	XLOC_022817	SIT1	chr9:35649296-35650947	0	1
XLOC_022826	XLOC_022826	FAM221B	chr9:35817013-35828744	0	1
XLOC_022828	XLOC_022828	OR2S2	chr9:35957104-35958151	0	1
XLOC_022831	XLOC_022831	MIR4475	chr9:36823535-36823596	0	1
XLOC_022832	XLOC_022832	PAX5	chr9:36838530-37034476	0	1
XLOC_022833	XLOC_022833	MIR4540	chr9:36838530-37034476	0	1
XLOC_022834	XLOC_022834	MIR4476	chr9:36838530-37034476	0	1
XLOC_022844	XLOC_022844	CNTNAP3	chr9:39072763-39288300	0	1
XLOC_022847	XLOC_022847	SPATA31A4	chr9:41321106-41327397	0	1
XLOC_022848	XLOC_022848	LOC653501,ZNF658B	chr9:41588832-41609544	0	1
XLOC_022852	XLOC_022852	FAM95B1	chr9:43027662-43033312	0	1
XLOC_022853	XLOC_022853	ANKRD20A2,ANKRD20A3	chr9:43089971-43133544	0	1
XLOC_022854	XLOC_022854	LOC642929	chr9:43140536-43145484	0	1
XLOC_022855	XLOC_022855	SPATA31A6	chr9:43624501-43630730	0	1
XLOC_022856	XLOC_022856	FAM74A2,FAM74A4	chr9:65487272-65494386	0	1
XLOC_022857	XLOC_022857	SPATA31A5	chr9:65503362-65509610	0	1

XLOC_022858	XLOC_022858	LOC286297	chr9:67017374-67032072	0	1
XLOC_022860	XLOC_022860	FAM27B	chr9:67792928-67794189	0	1
XLOC_022867	XLOC_022867	FOXDL4	chr9:70426622-70429731	0	1
XLOC_022871	XLOC_022871	PRKACG	chr9:71627448-71629039	0	1
XLOC_022875	XLOC_022875	LOC494558	chr9:72434320-72435655	0	1
XLOC_022880	XLOC_022880	MIR204	chr9:73149965-73736514	0	1
XLOC_022883	XLOC_022883	C9orf57	chr9:74666296-74675521	0	1
XLOC_022890	XLOC_022890	MIR548H3	chr9:78118511-78338744	0	1
XLOC_022893	XLOC_022893	VPS13A-AS1	chr9:79791671-80032399	0	1
XLOC_022904	XLOC_022904	MIR7-1	chr9:86582997-86595569	0	1
XLOC_022913	XLOC_022913	LOC494127	chr9:89698800-89700140	0	1
XLOC_022914	XLOC_022914	LOC392364	chr9:90472957-90473971	0	1
XLOC_022916	XLOC_022916	SPATA31C2	chr9:90744219-90749900	0	1
XLOC_022917	XLOC_022917	LOC286238	chr9:91262093-91267075	0	1
XLOC_022918	XLOC_022918	MIR4289	chr9:91360750-91360820	0	1
XLOC_022921	XLOC_022921	LOC286370	chr9:92782935-92803781	0	1
XLOC_022922	XLOC_022922	MIR4290	chr9:92782935-92803781	0	1
XLOC_022923	XLOC_022923	LOC340515	chr9:93224713-93345028	0	1
XLOC_022924	XLOC_022924	DIRAS2	chr9:93372113-93405108	0	1
XLOC_022925	XLOC_022925	LOC100129316	chr9:93825575-93837414	0	1
XLOC_022928	XLOC_022928	MIR3910-2	chr9:94398532-94398643	0	1
XLOC_022929	XLOC_022929	ROR2	chr9:94484877-94712444	0	1
XLOC_022938	XLOC_022938	MIR4670	chr9:95059639-95432547	0	1
XLOC_022949	XLOC_022949	FBP1	chr9:97365420-97402531	0	1
XLOC_022950	XLOC_022950	MIR3074	chr9:97488950-97849500	0	1
XLOC_022954	XLOC_022954	LINC00092	chr9:98782013-98784037	0	1
XLOC_022955	XLOC_022955	LOC158434	chr9:98868942-98878693	0	1
XLOC_022966	XLOC_022966	LOC286359	chr9:100153118-100158973	0	1
XLOC_022970	XLOC_022970	HEMGN	chr9:100689072-100707134	0	1
XLOC_022985	XLOC_022985	PPP3R2	chr9:104331633-104500862	0	1
XLOC_022986	XLOC_022986	OR13C4	chr9:107288533-107289490	0	1
XLOC_022987	XLOC_022987	OR13C3	chr9:107298050-107299094	0	1
XLOC_022988	XLOC_022988	OR13C5	chr9:107360737-107361694	0	1
XLOC_022989	XLOC_022989	OR13C2	chr9:107366951-107367908	0	1
XLOC_022990	XLOC_022990	OR13C9	chr9:107379528-107380485	0	1
XLOC_022992	XLOC_022992	MIR548Q	chr9:109625377-109848716	0	1
XLOC_022998	XLOC_022998	MIR32	chr9:111777414-111882225	0	1
XLOC_022999	XLOC_022999	FRRS1L	chr9:111899580-111929571	0	1
XLOC_023004	XLOC_023004	TXNDC8	chr9:113065866-113100125	0	1
XLOC_023006	XLOC_023006	LPAR1	chr9:113636053-113800365	0	1
XLOC_023007	XLOC_023007	OR2K2	chr9:114089762-114090713	0	1
XLOC_023010	XLOC_023010	LRRC37A5P	chr9:114365110-114375833	0	1
XLOC_023026	XLOC_023026	AMBP	chr9:116822407-116840752	0	1
XLOC_023030	XLOC_023030	LOC100505478	chr9:117428713-117444369	0	1
XLOC_023032	XLOC_023032	TNFSF8	chr9:117655622-117692875	0	1
XLOC_023033	XLOC_023033	TNC	chr9:117781853-117880536	0	1
XLOC_023034	XLOC_023034	LINC00474	chr9:118650543-118687377	0	1
XLOC_023036	XLOC_023036	SNORA70C	chr9:119187503-120177317	0	1
XLOC_023037	XLOC_023037	DBC1	chr9:121928907-122131739	0	1
XLOC_023038	XLOC_023038	MIR147A	chr9:123007256-123007328	0	1
XLOC_023050	XLOC_023050	MIR4478	chr9:124882360-124882446	0	1
XLOC_023052	XLOC_023052	LHX6	chr9:124964855-124991091	0	1
XLOC_023054	XLOC_023054	OR1J1	chr9:125239236-125240205	0	1
XLOC_023055	XLOC_023055	OR1N1	chr9:125288636-125289572	0	1
XLOC_023056	XLOC_023056	OR1L8	chr9:125329826-125330756	0	1
XLOC_023057	XLOC_023057	OR1B1	chr9:125390857-125391814	0	1
XLOC_023060	XLOC_023060	SNORD90	chr9:125611731-125667562	0	1
XLOC_023066	XLOC_023066	MIR601	chr9:126141932-126692417	0	1
XLOC_023087	XLOC_023087	MIR4672	chr9:130628758-130640022	0	1
XLOC_023097	XLOC_023097	MIR199B	chr9:130928343-131017527	0	1
XLOC_023098	XLOC_023098	MIR3154	chr9:130928343-131017527	0	1
XLOC_023101	XLOC_023101	MIR219-2	chr9:131154896-131154993	0	1
XLOC_023130	XLOC_023130	GBGT1	chr9:136028339-136039301	0	1
XLOC_023131	XLOC_023131	OBP2B	chr9:136080665-136084628	0	1
XLOC_023139	XLOC_023139	TMEM8C	chr9:136379707-136390068	0	1
XLOC_023140	XLOC_023140	FAM163B	chr9:136443536-136445368	0	1
XLOC_023145	XLOC_023145	MIR3689A,MIR3689E	chr9:137741020-137742490	0	1
XLOC_023146	XLOC_023146	MIR3689C	chr9:137741020-137742490	0	1
XLOC_023147	XLOC_023147	MIR3689D1	chr9:137741020-137742490	0	1
XLOC_023148	XLOC_023148	MIR3689B	chr9:137741020-137742490	0	1
XLOC_023149	XLOC_023149	MIR3689D2	chr9:137741020-137742490	0	1
XLOC_023150	XLOC_023150	MIR3689F	chr9:137742587-137742653	0	1
XLOC_023151	XLOC_023151	FCN1	chr9:137801430-137809806	0	1
XLOC_023154	XLOC_023154	GLT6D1	chr9:138515501-138531386	0	1
XLOC_023155	XLOC_023155	SOHLH1	chr9:138585254-138591374	0	1
XLOC_023170	XLOC_023170	MIR4673	chr9:139388895-139440238	0	1
XLOC_023171	XLOC_023171	MIR4674	chr9:139440624-139440711	0	1
XLOC_023175	XLOC_023175	LCN6	chr9:139638468-139644363	0	1
XLOC_023176	XLOC_023176	LCN8	chr9:139648839-139652731	0	1

XLOC_023190	XLOC_023190	MIR3621	chr9:140033608-140064491	0	1
XLOC_023232	XLOC_023232	PLCXD1	chrX:192990-220022	0	1
XLOC_023233	XLOC_023233	LINC00685	chrX:281384-282054	0	1
XLOC_023234	XLOC_023234	SHOX	chrX:585078-620146	0	1
XLOC_023235	XLOC_023235	CSF2RA	chrX:1387692-1428828	0	1
XLOC_023236	XLOC_023236	MIR3690	chrX:1387692-1428828	0	1
XLOC_023237	XLOC_023237	IL3RA	chrX:1455508-1501582	0	1
XLOC_023238	XLOC_023238	ASMTL-AS1	chrX:1519423-1572655	0	1
XLOC_023239	XLOC_023239	AKAP17A,ASMT	chrX:1710485-1761974	0	1
XLOC_023240	XLOC_023240	CD99P1	chrX:2527305-2575270	0	1
XLOC_023241	XLOC_023241	CD99	chrX:2609227-2659350	0	1
XLOC_023243	XLOC_023243	GYG2	chrX:2746862-2800861	0	1
XLOC_023244	XLOC_023244	ARSH	chrX:2924653-2951426	0	1
XLOC_023245	XLOC_023245	ARSF	chrX:2958274-3030770	0	1
XLOC_023247	XLOC_023247	MIR4767	chrX:6966960-7066231	0	1
XLOC_023250	XLOC_023250	MIR651	chrX:8095005-8095102	0	1
XLOC_023256	XLOC_023256	CLCN4	chrX:10124984-10205699	0	1
XLOC_023258	XLOC_023258	AMELX	chrX:11155662-11683821	0	1
XLOC_023260	XLOC_023260	FRMPD4	chrX:12156584-12742642	0	1
XLOC_023263	XLOC_023263	TLR8	chrX:12920935-12961419	0	1
XLOC_023265	XLOC_023265	LOC100093698	chrX:13328770-13338518	0	1
XLOC_023266	XLOC_023266	LOC100133123	chrX:13353359-13359944	0	1
XLOC_023267	XLOC_023267	EGFL6	chrX:13587693-13651694	0	1
XLOC_023273	XLOC_023273	BMX	chrX:15518899-15574652	0	1
XLOC_023278	XLOC_023278	S100G	chrX:16606121-16731059	0	1
XLOC_023283	XLOC_023283	MIR4768	chrX:17393542-17754113	0	1
XLOC_023289	XLOC_023289	CNKSR2	chrX:21392535-21672813	0	1
XLOC_023294	XLOC_023294	ZNF645	chrX:22277913-23311263	0	1
XLOC_023295	XLOC_023295	DDX53	chrX:22277913-23311263	0	1
XLOC_023296	XLOC_023296	PTCHD1	chrX:23352984-23414918	0	1
XLOC_023302	XLOC_023302	SUPT20HL1	chrX:24380877-24383541	0	1
XLOC_023305	XLOC_023305	SCARNA23	chrX:24712063-25015102	0	1
XLOC_023306	XLOC_023306	MAGEB18	chrX:26156459-26158853	0	1
XLOC_023308	XLOC_023308	MAGEB5	chrX:26234285-26236387	0	1
XLOC_023309	XLOC_023309	VENTXP1	chrX:26576453-26579169	0	1
XLOC_023310	XLOC_023310	DCAF8L2	chrX:27764925-27766938	0	1
XLOC_023312	XLOC_023312	IL1RAPL1	chrX:28605680-29974017	0	1
XLOC_023314	XLOC_023314	MAGEB3	chrX:30248552-30255610	0	1
XLOC_023315	XLOC_023315	MAGEB1,MAGEB4	chrX:30260056-30270155	0	1
XLOC_023317	XLOC_023317	FAM47B	chrX:34960912-34963034	0	1
XLOC_023318	XLOC_023318	MAGEB16	chrX:35816458-35821852	0	1
XLOC_023322	XLOC_023322	FAM47C	chrX:37026431-37029739	0	1
XLOC_023327	XLOC_023327	CXorf27	chrX:37850069-37850570	0	1
XLOC_023328	XLOC_023328	SYTL5	chrX:37865834-37988073	0	1
XLOC_023333	XLOC_023333	MPC1L	chrX:40482817-40483388	0	1
XLOC_023340	XLOC_023340	DUSP21	chrX:44703248-44704134	0	1
XLOC_023347	XLOC_023347	RGN	chrX:46937774-46952712	0	1
XLOC_023352	XLOC_023352	ZNF157	chrX:47229998-47273098	0	1
XLOC_023353	XLOC_023353	SNORA11C	chrX:47229998-47273098	0	1
XLOC_023356	XLOC_023356	MIR4769	chrX:47420498-47479256	0	1
XLOC_023358	XLOC_023358	CXXC1P1	chrX:47566589-47596027	0	1
XLOC_023360	XLOC_023360	SPACA5,SPACA5B	chrX:47863733-47869128	0	1
XLOC_023361	XLOC_023361	SSX6	chrX:47967366-47980068	0	1
XLOC_023362	XLOC_023362	SPACA5,SPACA5B	chrX:47986602-47991997	0	1
XLOC_023363	XLOC_023363	SSX1	chrX:48114796-48126879	0	1
XLOC_023364	XLOC_023364	SSX4B	chrX:48242956-48252785	0	1
XLOC_023373	XLOC_023373	GLOD5	chrX:48620153-48632064	0	1
XLOC_023374	XLOC_023374	GATA1	chrX:48644981-48652717	0	1
XLOC_023383	XLOC_023383	GAGE10	chrX:49160124-49176311	0	1
XLOC_023384	XLOC_023384	GAGE12J	chrX:49178515-49185866	0	1
XLOC_023385	XLOC_023385	GAGE12D,GAGE12F,GAGE13,G	chrX:49188093-49313710	0	1
XLOC_023386	XLOC_023386	GAGE12D	chrX:49315880-49323262	0	1
XLOC_023387	XLOC_023387	GAGE12D,GAGE12F	chrX:49325433-49332821	0	1
XLOC_023388	XLOC_023388	GAGE12D,GAGE12F	chrX:49334991-49342370	0	1
XLOC_023389	XLOC_023389	GAGE12D	chrX:49344540-49351917	0	1
XLOC_023390	XLOC_023390	GAGE2A	chrX:49354117-49361430	0	1
XLOC_023391	XLOC_023391	GAGE1	chrX:49363615-49373139	0	1
XLOC_023395	XLOC_023395	MIR532	chrX:49687224-49863892	0	1
XLOC_023396	XLOC_023396	MIR188	chrX:49687224-49863892	0	1
XLOC_023397	XLOC_023397	MIR500A	chrX:49687224-49863892	0	1
XLOC_023398	XLOC_023398	MIR362	chrX:49687224-49863892	0	1
XLOC_023399	XLOC_023399	MIR501	chrX:49687224-49863892	0	1
XLOC_023400	XLOC_023400	MIR500B	chrX:49687224-49863892	0	1
XLOC_023401	XLOC_023401	MIR660	chrX:49687224-49863892	0	1
XLOC_023402	XLOC_023402	MIR502	chrX:49687224-49863892	0	1
XLOC_023404	XLOC_023404	BMP15	chrX:50653734-50659641	0	1
XLOC_023405	XLOC_023405	NUDT10	chrX:51075082-51080377	0	1
XLOC_023406	XLOC_023406	CENPVP2	chrX:51453924-51455226	0	1
XLOC_023410	XLOC_023410	MAGED4	chrX:51927918-51935366	0	1

XLOC_023411	XLOC_023411	XAGE2,XAGE2B	chrX:52112077-52118822	0	1
XLOC_023412	XLOC_023412	XAGE1C,XAGE1E	chrX:52238809-52243953	0	1
XLOC_023413	XLOC_023413	XAGE1B,XAGE1C	chrX:52511760-52516904	0	1
XLOC_023414	XLOC_023414	SSX8	chrX:52651984-52662998	0	1
XLOC_023415	XLOC_023415	SSX2,SSX2B	chrX:52780307-52790617	0	1
XLOC_023416	XLOC_023416	XAGE5	chrX:52841227-52847322	0	1
XLOC_023417	XLOC_023417	FAM156A,FAM156B	chrX:52926321-52937585	0	1
XLOC_023429	XLOC_023429	PAGE5	chrX:55246790-55250541	0	1
XLOC_023430	XLOC_023430	MIR4536-1	chrX:55477892-55477953	0	1
XLOC_023431	XLOC_023431	MAGEH1	chrX:55478537-55479999	0	1
XLOC_023432	XLOC_023432	FOX2	chrX:55649832-55652621	0	1
XLOC_023441	XLOC_023441	MIR223	chrX:65238711-65238821	0	1
XLOC_023447	XLOC_023447	FAM155B	chrX:68725077-68752351	0	1
XLOC_023448	XLOC_023448	EDA	chrX:68835910-69259321	0	1
XLOC_023449	XLOC_023449	MIR676	chrX:68835910-69259321	0	1
XLOC_023453	XLOC_023453	AWAT1	chrX:69454504-69460511	0	1
XLOC_023454	XLOC_023454	ARR3	chrX:69488184-69501690	0	1
XLOC_023462	XLOC_023462	GJB1	chrX:70430034-70948962	0	1
XLOC_023468	XLOC_023468	FLJ46446	chrX:70430034-70948962	0	1
XLOC_023469	XLOC_023469	CXorf49B	chrX:70983139-70987051	0	1
XLOC_023470	XLOC_023470	NHSL2	chrX:71130937-71363424	0	1
XLOC_023472	XLOC_023472	FLJ44635	chrX:71364033-71381600	0	1
XLOC_023474	XLOC_023474	DMRTC1B	chrX:72064875-72068636	0	1
XLOC_023475	XLOC_023475	LINC00684	chrX:72158002-72158798	0	1
XLOC_023476	XLOC_023476	PABPC1L2B	chrX:72223351-72225551	0	1
XLOC_023477	XLOC_023477	CDX4	chrX:72667089-72674421	0	1
XLOC_023481	XLOC_023481	MIR374C	chrX:73164158-73513409	0	1
XLOC_023482	XLOC_023482	ZCCHC13	chrX:73524024-73524869	0	1
XLOC_023486	XLOC_023486	MAGEE1	chrX:75648045-75651746	0	1
XLOC_023487	XLOC_023487	FGF16	chrX:76709646-76712013	0	1
XLOC_023491	XLOC_023491	LPAR4	chrX:78003205-78012578	0	1
XLOC_023492	XLOC_023492	P2RY10	chrX:78200828-78217438	0	1
XLOC_023493	XLOC_023493	GPR174	chrX:78426468-78427726	0	1
XLOC_023494	XLOC_023494	TBX22	chrX:79270254-79287268	0	1
XLOC_023495	XLOC_023495	FAM46D	chrX:79591002-79700810	0	1
XLOC_023497	XLOC_023497	POU3F4	chrX:82763268-82764775	0	1
XLOC_023498	XLOC_023498	CYLC1	chrX:83116133-83141708	0	1
XLOC_023499	XLOC_023499	UBE2DNL	chrX:84189156-84189896	0	1
XLOC_023502	XLOC_023502	DACH2	chrX:85403454-86087605	0	1
XLOC_023503	XLOC_023503	KLHL4	chrX:86772714-86925050	0	1
XLOC_023504	XLOC_023504	CPXCR1	chrX:88002225-88009785	0	1
XLOC_023505	XLOC_023505	TGIF2LX	chrX:89176939-89177882	0	1
XLOC_023506	XLOC_023506	PABPC5	chrX:90689596-90693583	0	1
XLOC_023511	XLOC_023511	TNMD	chrX:99839789-99854882	0	1
XLOC_023523	XLOC_023523	NXF2B	chrX:101502093-101581634	0	1
XLOC_023524	XLOC_023524	NXF4	chrX:101804892-101826621	0	1
XLOC_023531	XLOC_023531	TCEAL7	chrX:102585113-102587251	0	1
XLOC_023539	XLOC_023539	PLP1	chrX:103031438-103047547	0	1
XLOC_023540	XLOC_023540	TMSB15B	chrX:103139054-103401708	0	1
XLOC_023541	XLOC_023541	H2BFXP	chrX:103139054-103401708	0	1
XLOC_023542	XLOC_023542	H2BFM	chrX:103139054-103401708	0	1
XLOC_023543	XLOC_023543	ZCCHC18	chrX:103139054-103401708	0	1
XLOC_023545	XLOC_023545	IL1RAPL2	chrX:103810995-105011822	0	1
XLOC_023546	XLOC_023546	NRK	chrX:105066535-105202602	0	1
XLOC_023547	XLOC_023547	MUM1L1	chrX:105412297-105452949	0	1
XLOC_023549	XLOC_023549	RNF128	chrX:105937067-106040246	0	1
XLOC_023557	XLOC_023557	COL4A5	chrX:107683073-107940775	0	1
XLOC_023560	XLOC_023560	MIR3978	chrX:109245862-109421016	0	1
XLOC_023562	XLOC_023562	TDGF1P3	chrX:109763539-109766249	0	1
XLOC_023563	XLOC_023563	PAK3	chrX:110187512-110464173	0	1
XLOC_023564	XLOC_023564	DKFZp686D0853	chrX:110754889-110765627	0	1
XLOC_023566	XLOC_023566	TRPCSOS	chrX:111017541-111326004	0	1
XLOC_023568	XLOC_023568	HTR2C	chrX:113818550-114144624	0	1
XLOC_023569	XLOC_023569	SNORA35	chrX:113818550-114144624	0	1
XLOC_023570	XLOC_023570	MIR764	chrX:113818550-114144624	0	1
XLOC_023571	XLOC_023571	MIR1912	chrX:113818550-114144624	0	1
XLOC_023572	XLOC_023572	MIR1264	chrX:113818550-114144624	0	1
XLOC_023573	XLOC_023573	MIR1298	chrX:113818550-114144624	0	1
XLOC_023574	XLOC_023574	MIR1911	chrX:113818550-114144624	0	1
XLOC_023575	XLOC_023575	MIR448	chrX:113818550-114144624	0	1
XLOC_023576	XLOC_023576	RBMXL3	chrX:114345182-114468635	0	1
XLOC_023580	XLOC_023580	SLC6A14	chrX:115567746-115592625	0	1
XLOC_023582	XLOC_023582	MIR1277	chrX:117480035-117583923	0	1
XLOC_023593	XLOC_023593	AKAP14	chrX:119029935-119054679	0	1
XLOC_023594	XLOC_023594	RHOXF2B	chrX:119292466-119297945	0	1
XLOC_023596	XLOC_023596	ATP1B4	chrX:119495939-119517104	0	1
XLOC_023603	XLOC_023603	LOC100129520	chrX:124453968-124456950	0	1
XLOC_023604	XLOC_023604	CXorf64	chrX:125953746-125955768	0	1
XLOC_023606	XLOC_023606	XPNPEP2	chrX:128872945-128903525	0	1

XLOC_023607	XLOC_023607	SASH3	chrX:128913891-128929176	0	1
XLOC_023614	XLOC_023614	ARHGAP36	chrX:130192215-130223857	0	1
XLOC_023615	XLOC_023615	OR13H1	chrX:130678047-130678974	0	1
XLOC_023617	XLOC_023617	HS6ST2-AS1	chrX:131760037-132095423	0	1
XLOC_023618	XLOC_023618	CCDC160	chrX:133371076-133379808	0	1
XLOC_023623	XLOC_023623	SMIM10	chrX:134124967-134126503	0	1
XLOC_023624	XLOC_023624	FAM127A	chrX:134166332-134167575	0	1
XLOC_023626	XLOC_023626	LINC00086	chrX:134555867-134560225	0	1
XLOC_023628	XLOC_023628	CT45A1	chrX:134847184-134856988	0	1
XLOC_023629	XLOC_023629	CT45A2,CT45A3,CT45A4	chrX:134866213-134891519	0	1
XLOC_023630	XLOC_023630	SAGE1	chrX:134975784-134995220	0	1
XLOC_023633	XLOC_023633	GPR112	chrX:135383121-135499047	0	1
XLOC_023634	XLOC_023634	BRS3	chrX:135570124-135574598	0	1
XLOC_023636	XLOC_023636	VGLL1	chrX:135614310-135638966	0	1
XLOC_023637	XLOC_023637	MIR934	chrX:135614310-135638966	0	1
XLOC_023638	XLOC_023638	LOC100128420	chrX:135721701-135724588	0	1
XLOC_023640	XLOC_023640	ZIC3	chrX:136648345-136654259	0	1
XLOC_023641	XLOC_023641	FGF13-AS1	chrX:137713733-138287185	0	1
XLOC_023642	XLOC_023642	SRD5A1P1	chrX:138528977-138531132	0	1
XLOC_023643	XLOC_023643	F9	chrX:138612894-138645617	0	1
XLOC_023644	XLOC_023644	LOC389895	chrX:139173825-139175070	0	1
XLOC_023645	XLOC_023645	RP1-177G6.2	chrX:139791923-139796996	0	1
XLOC_023646	XLOC_023646	SPANXB2	chrX:140084755-140085871	0	1
XLOC_023647	XLOC_023647	SPANXB1	chrX:140096760-140097876	0	1
XLOC_023648	XLOC_023648	SPANXA2-OT1	chrX:140590842-140738069	0	1
XLOC_023649	XLOC_023649	SPANXA2	chrX:140590842-140738069	0	1
XLOC_023650	XLOC_023650	MAGEC3	chrX:140926101-140985618	0	1
XLOC_023651	XLOC_023651	MAGEC1	chrX:140991641-140997187	0	1
XLOC_023652	XLOC_023652	SPANXN4	chrX:142113703-142122066	0	1
XLOC_023653	XLOC_023653	UBE2NL	chrX:142967172-142968357	0	1
XLOC_023654	XLOC_023654	SPANXN1	chrX:144329106-144337728	0	1
XLOC_023656	XLOC_023656	TMEM257	chrX:144908927-144911370	0	1
XLOC_023657	XLOC_023657	CXorf51B	chrX:145891301-145891929	0	1
XLOC_023660	XLOC_023660	AFF2	chrX:147582138-148082193	0	1
XLOC_023662	XLOC_023662	MAGEA11	chrX:148769902-148798928	0	1
XLOC_023663	XLOC_023663	HSFX2	chrX:148855725-148858528	0	1
XLOC_023664	XLOC_023664	MAGEA9B	chrX:148863592-148869399	0	1
XLOC_023667	XLOC_023667	MIR2114	chrX:149396238-149396318	0	1
XLOC_023672	XLOC_023672	MIR4330	chrX:150336693-150336798	0	1
XLOC_023673	XLOC_023673	GPR50	chrX:150345055-150349937	0	1
XLOC_023675	XLOC_023675	PASD1	chrX:150732006-150845211	0	1
XLOC_023676	XLOC_023676	PRRG3	chrX:150863729-150870063	0	1
XLOC_023677	XLOC_023677	FATE1	chrX:150884507-150891664	0	1
XLOC_023678	XLOC_023678	CNGA2	chrX:150903217-150914036	0	1
XLOC_023680	XLOC_023680	GABRQ	chrX:151806636-151821825	0	1
XLOC_023681	XLOC_023681	MAGEA6	chrX:151867244-151870814	0	1
XLOC_023682	XLOC_023682	MAGEA2,MAGEA2B	chrX:151883118-151887095	0	1
XLOC_023684	XLOC_023684	CSAG2,CSAG3	chrX:151927733-151928738	0	1
XLOC_023687	XLOC_023687	PNMA3	chrX:152224765-152228827	0	1
XLOC_023688	XLOC_023688	PNMA6C,PNMA6D	chrX:152240726-152243402	0	1
XLOC_023690	XLOC_023690	ZFP92	chrX:152683780-152687086	0	1
XLOC_023693	XLOC_023693	DUSP9	chrX:152907896-152916781	0	1
XLOC_023699	XLOC_023699	AVPR2	chrX:153167984-153172620	0	1
XLOC_023701	XLOC_023701	MIR3202-1	chrX:153237990-153248646	0	1
XLOC_023703	XLOC_023703	OPN1MW	chrX:153448084-153462352	0	1
XLOC_023704	XLOC_023704	OPN1MW	chrX:153485202-153523564	0	1
XLOC_023715	XLOC_023715	FAM223B	chrX:153799478-153800188	0	1
XLOC_023716	XLOC_023716	CTAG1B	chrX:153813417-153815075	0	1
XLOC_023719	XLOC_023719	SNORA56	chrX:153991030-154005964	0	1
XLOC_023720	XLOC_023720	H2AFB1	chrX:154064063-154250998	0	1
XLOC_023725	XLOC_023725	H2AFB3	chrX:154610427-154610944	0	1
XLOC_023726	XLOC_023726	F8A1	chrX:154611748-154613450	0	1
XLOC_023727	XLOC_023727	MIR1184-3	chrX:154686574-154688276	0	1
XLOC_023728	XLOC_023728	TMLHE-AS1	chrX:154696200-154842622	0	1
XLOC_023729	XLOC_023729	SPRY3	chrX:154997450-155012117	0	1
XLOC_023730	XLOC_023730	VAMP7	chrX:155110942-155173433	0	1
XLOC_023731	XLOC_023731	IL9R	chrX:155227245-155240482	0	1
XLOC_023732	XLOC_023732	GTPBP6	chrX:221425-230887	0	1
XLOC_023733	XLOC_023733	PPP2R3B	chrX:294667-347690	0	1
XLOC_023734	XLOC_023734	CRLF2	chrX:1314886-1331530	0	1
XLOC_023735	XLOC_023735	SLC25A6	chrX:1505044-1511039	0	1
XLOC_023736	XLOC_023736	ASMTL	chrX:1519423-1572655	0	1
XLOC_023737	XLOC_023737	P2RY8	chrX:1581465-1656037	0	1
XLOC_023738	XLOC_023738	DHRX,ZBED1	chrX:2137554-2419015	0	1
XLOC_023741	XLOC_023741	ARSE	chrX:2852672-2882494	0	1
XLOC_023742	XLOC_023742	MXRA5	chrX:3226608-3264684	0	1
XLOC_023745	XLOC_023745	NLGN4X	chrX:5808082-6146706	0	1
XLOC_023746	XLOC_023746	MIR4770	chrX:6301946-6302004	0	1
XLOC_023750	XLOC_023750	VCX2	chrX:8137984-8139308	0	1

XLOC_023751	XLOC_023751	KAL1	chrX:8496914-8700227	0	1
XLOC_023752	XLOC_023752	FAM9A	chrX:8758836-8769424	0	1
XLOC_023753	XLOC_023753	FAM9B	chrX:8993036-9001116	0	1
XLOC_023756	XLOC_023756	ARHGAP6	chrX:11155662-11683821	0	1
XLOC_023757	XLOC_023757	TLR8-AS1	chrX:12920935-12961419	0	1
XLOC_023758	XLOC_023758	FAM9C	chrX:13053735-13062917	0	1
XLOC_023759	XLOC_023759	ATXN3L	chrX:13328770-13338518	0	1
XLOC_023764	XLOC_023764	ASB9	chrX:15262108-15288589	0	1
XLOC_023765	XLOC_023765	ASB11	chrX:15299830-15333746	0	1
XLOC_023774	XLOC_023774	RAI2	chrX:17818168-17879457	0	1
XLOC_023776	XLOC_023776	SCML2	chrX:18257432-18372844	0	1
XLOC_023785	XLOC_023785	MIR23C	chrX:20024830-20135114	0	1
XLOC_023789	XLOC_023789	KLHL34	chrX:21673608-21676448	0	1
XLOC_023790	XLOC_023790	SMPX	chrX:21724089-21776278	0	1
XLOC_023791	XLOC_023791	PHEX-AS1	chrX:22050920-22266478	0	1
XLOC_023792	XLOC_023792	LOC100873065	chrX:22277913-23311263	0	1
XLOC_023797	XLOC_023797	SUPT20HL2	chrX:24328978-24331432	0	1
XLOC_023798	XLOC_023798	PCYT1B	chrX:24576203-24690979	0	1
XLOC_023800	XLOC_023800	SMEK3P	chrX:27478327-27481458	0	1
XLOC_023801	XLOC_023801	DCAF8L1	chrX:27996109-27999566	0	1
XLOC_023802	XLOC_023802	NR0B1	chrX:30322538-30327495	0	1
XLOC_023803	XLOC_023803	CXorf21	chrX:30576940-30596033	0	1
XLOC_023805	XLOC_023805	FTHL17	chrX:31089357-31090170	0	1
XLOC_023806	XLOC_023806	DMD	chrX:31137344-33357726	0	1
XLOC_023807	XLOC_023807	FAM47A	chrX:34147868-34150447	0	1
XLOC_023808	XLOC_023808	TMEM47	chrX:34645180-34675405	0	1
XLOC_023813	XLOC_023813	LOC286442	chrX:39164209-39186616	0	1
XLOC_023817	XLOC_023817	LOC100132831	chrX:40690469-40692449	0	1
XLOC_023819	XLOC_023819	PPP1R2P9	chrX:42636616-42637486	0	1
XLOC_023820	XLOC_023820	MAOB	chrX:43625856-43741721	0	1
XLOC_023821	XLOC_023821	NDP	chrX:43808023-43832921	0	1
XLOC_023822	XLOC_023822	EFHC2	chrX:44007127-44202923	0	1
XLOC_023826	XLOC_023826	MIR222	chrX:45606420-45606530	0	1
XLOC_023838	XLOC_023838	SSX5	chrX:48045655-48056199	0	1
XLOC_023839	XLOC_023839	SSX9	chrX:48160984-48165614	0	1
XLOC_023840	XLOC_023840	SSX3	chrX:48205862-48216142	0	1
XLOC_023841	XLOC_023841	SSX4B	chrX:48261523-48271355	0	1
XLOC_023856	XLOC_023856	CACNA1F	chrX:49061522-49089833	0	1
XLOC_023858	XLOC_023858	PAGE1	chrX:49452053-49460596	0	1
XLOC_023860	XLOC_023860	AKAP4	chrX:49955410-49965664	0	1
XLOC_023861	XLOC_023861	DGKK	chrX:50111878-50213721	0	1
XLOC_023863	XLOC_023863	NUDT11	chrX:51232862-51239459	0	1
XLOC_023864	XLOC_023864	CENPVP2	chrX:51424145-51425447	0	1
XLOC_023865	XLOC_023865	MAGED4,MAGED4B	chrX:51804922-51812368	0	1
XLOC_023866	XLOC_023866	SNORA11D	chrX:51804922-51812368	0	1
XLOC_023867	XLOC_023867	SNORA11E	chrX:51927918-51935366	0	1
XLOC_023868	XLOC_023868	XAGE1B,XAGE1D	chrX:52255219-52260363	0	1
XLOC_023869	XLOC_023869	XAGE2,XAGE2B	chrX:52380351-52387096	0	1
XLOC_023870	XLOC_023870	XAGE1C	chrX:52528159-52533303	0	1
XLOC_023871	XLOC_023871	XAGE1A,XAGE1C	chrX:52541053-52546197	0	1
XLOC_023872	XLOC_023872	SSX7	chrX:52673110-52683950	0	1
XLOC_023873	XLOC_023873	SSX2	chrX:52725945-52736249	0	1
XLOC_023874	XLOC_023874	SPANXN5	chrX:52825185-52826388	0	1
XLOC_023875	XLOC_023875	XAGE3	chrX:52891557-52897119	0	1
XLOC_023882	XLOC_023882	MIR98	chrX:53559056-53713697	0	1
XLOC_023883	XLOC_023883	MIRLET7F2	chrX:53559056-53713697	0	1
XLOC_023888	XLOC_023888	ITIH6	chrX:54775331-54824673	0	1
XLOC_023893	XLOC_023893	PAGE3	chrX:55284848-55291165	0	1
XLOC_023894	XLOC_023894	USP51	chrX:55511048-55515631	0	1
XLOC_023899	XLOC_023899	ZXDA	chrX:57931863-57937067	0	1
XLOC_023903	XLOC_023903	MIR1468	chrX:63005881-63005967	0	1
XLOC_023905	XLOC_023905	ASB12	chrX:63444071-63450511	0	1
XLOC_023906	XLOC_023906	MTMR8	chrX:63487960-63615333	0	1
XLOC_023909	XLOC_023909	FRMD8P1	chrX:64770501-64772301	0	1
XLOC_023910	XLOC_023910	VSI6A	chrX:65241579-65259967	0	1
XLOC_023917	XLOC_023917	TEX11	chrX:69748789-70128567	0	1
XLOC_023918	XLOC_023918	SLC7A3	chrX:70145429-70150975	0	1
XLOC_023920	XLOC_023920	CXorf65	chrX:70323738-70326638	0	1
XLOC_023925	XLOC_023925	CXCR3	chrX:70430034-70948962	0	1
XLOC_023926	XLOC_023926	CXorf49B	chrX:70430034-70948962	0	1
XLOC_023933	XLOC_023933	LINC00684	chrX:72001688-72002484	0	1
XLOC_023934	XLOC_023934	DMRTC1B	chrX:72091858-72095622	0	1
XLOC_023936	XLOC_023936	PABPC1L2A	chrX:72297176-72299351	0	1
XLOC_023942	XLOC_023942	MIR421	chrX:73164158-73513409	0	1
XLOC_023943	XLOC_023943	MIR374B	chrX:73164158-73513409	0	1
XLOC_023944	XLOC_023944	MIR545	chrX:73164158-73513409	0	1
XLOC_023945	XLOC_023945	MIR374A	chrX:73164158-73513409	0	1
XLOC_023947	XLOC_023947	KIAA2022	chrX:73952690-74145287	0	1
XLOC_023951	XLOC_023951	MAGEE2	chrX:75002822-75005079	0	1

XLOC_023952	XLOC_023952	MIR384	chrX:76139697-76139785	0	1
XLOC_023957	XLOC_023957	CYSLTR1	chrX:77528129-77583087	0	1
XLOC_023958	XLOC_023958	ZCCHC5	chrX:77911565-77914825	0	1
XLOC_023959	XLOC_023959	MIR4328	chrX:78156690-78156746	0	1
XLOC_023960	XLOC_023960	ITM2A	chrX:78615880-78623049	0	1
XLOC_023964	XLOC_023964	HDX	chrX:83572881-83757487	0	1
XLOC_023968	XLOC_023968	NAP1L3	chrX:92925924-92928682	0	1
XLOC_023969	XLOC_023969	LOC643486	chrX:95592084-95592901	0	1
XLOC_023970	XLOC_023970	LOC442459	chrX:98716599-99194841	0	1
XLOC_023983	XLOC_023983	NXF5	chrX:101087084-101112549	0	1
XLOC_023987	XLOC_023987	NXF2	chrX:101615315-101694929	0	1
XLOC_023988	XLOC_023988	TMSB15A	chrX:101768609-101771699	0	1
XLOC_023989	XLOC_023989	BEX1	chrX:102317580-102319168	0	1
XLOC_023990	XLOC_023990	NXF3	chrX:102330749-102348022	0	1
XLOC_023993	XLOC_023993	BEX2	chrX:102564273-102565974	0	1
XLOC_023996	XLOC_023996	GLRA4	chrX:102962271-102983552	0	1
XLOC_023999	XLOC_023999	H2BFWT	chrX:103139054-103401708	0	1
XLOC_024000	XLOC_024000	H2BFXP	chrX:103139054-103401708	0	1
XLOC_024002	XLOC_024002	ESX1	chrX:103494718-103499599	0	1
XLOC_024003	XLOC_024003	TEX13A	chrX:103810995-105011822	0	1
XLOC_024004	XLOC_024004	SERPINA7	chrX:105277189-105282718	0	1
XLOC_024008	XLOC_024008	NUP62CL	chrX:106366656-106449670	0	1
XLOC_024013	XLOC_024013	IRS4	chrX:107975726-107979607	0	1
XLOC_024014	XLOC_024014	GUCY2F	chrX:108616134-108725285	0	1
XLOC_024018	XLOC_024018	SNORD96B	chrX:109437413-109699562	0	1
XLOC_024019	XLOC_024019	CHRDL1	chrX:109917083-110039286	0	1
XLOC_024022	XLOC_024022	RNU6-28	chrX:110537006-110664835	0	1
XLOC_024024	XLOC_024024	LHFPL1	chrX:111873878-111923375	0	1
XLOC_024026	XLOC_024026	MIR4329	chrX:112018104-112084043	0	1
XLOC_024028	XLOC_024028	LRCH2	chrX:114345182-114468635	0	1
XLOC_024029	XLOC_024029	CXorf61	chrX:115592852-115594194	0	1
XLOC_024030	XLOC_024030	KLHL13	chrX:117031775-117251303	0	1
XLOC_024036	XLOC_024036	MIR766	chrX:118749687-118827333	0	1
XLOC_024042	XLOC_024042	RHOXF2B	chrX:119206228-119211707	0	1
XLOC_024043	XLOC_024043	RHOXF1	chrX:119243010-119249847	0	1
XLOC_024049	XLOC_024049	CT47B1	chrX:120006451-120009779	0	1
XLOC_024050	XLOC_024050	CT47A1,CT47A4	chrX:120011344-120066151	0	1
XLOC_024051	XLOC_024051	CT47A8	chrX:120067694-120071012	0	1
XLOC_024052	XLOC_024052	CT47A11	chrX:120072555-120075873	0	1
XLOC_024053	XLOC_024053	CT47A5	chrX:120077415-120080733	0	1
XLOC_024054	XLOC_024054	CT47A3	chrX:120082276-120085594	0	1
XLOC_024055	XLOC_024055	CT47A7	chrX:120087136-120090454	0	1
XLOC_024056	XLOC_024056	CT47A1,CT47A2,CT47A6	chrX:120092019-120100198	0	1
XLOC_024057	XLOC_024057	CT47A2	chrX:120101740-120105058	0	1
XLOC_024058	XLOC_024058	CT47A9	chrX:120106600-120109918	0	1
XLOC_024059	XLOC_024059	CT47A8	chrX:120111460-120114778	0	1
XLOC_024060	XLOC_024060	CT47A6	chrX:120116320-120119638	0	1
XLOC_024062	XLOC_024062	TENM1	chrX:123509755-124097666	0	1
XLOC_024063	XLOC_024063	DCAF12L2	chrX:125297481-125300080	0	1
XLOC_024064	XLOC_024064	DCAF12L1	chrX:125683365-125686842	0	1
XLOC_024065	XLOC_024065	ACTRT1	chrX:127184940-127186382	0	1
XLOC_024066	XLOC_024066	SMARCA1	chrX:128580477-128657460	0	1
XLOC_024072	XLOC_024072	GPR119	chrX:129518318-129519511	0	1
XLOC_024076	XLOC_024076	FRMD7	chrX:131211020-131262050	0	1
XLOC_024079	XLOC_024079	HS6ST2	chrX:131760037-132095423	0	1
XLOC_024080	XLOC_024080	USP26	chrX:132159506-132162300	0	1
XLOC_024081	XLOC_024081	TFDP3	chrX:132350696-132352376	0	1
XLOC_024083	XLOC_024083	GPC3	chrX:132669775-133119673	0	1
XLOC_024084	XLOC_024084	MIR363	chrX:133303407-133303482	0	1
XLOC_024085	XLOC_024085	MIR92A2	chrX:133303567-133303642	0	1
XLOC_024086	XLOC_024086	MIR19B2	chrX:133303700-133303796	0	1
XLOC_024087	XLOC_024087	MIR20B	chrX:133303838-133303907	0	1
XLOC_024088	XLOC_024088	MIR18B	chrX:133304070-133304141	0	1
XLOC_024089	XLOC_024089	MIR106A	chrX:133304227-133304308	0	1
XLOC_024090	XLOC_024090	MIR450B	chrX:133674214-133674292	0	1
XLOC_024091	XLOC_024091	MIR450A1	chrX:133674370-133674461	0	1
XLOC_024092	XLOC_024092	MIR450A2	chrX:133674537-133674637	0	1
XLOC_024093	XLOC_024093	MIR542	chrX:133675370-133675467	0	1
XLOC_024094	XLOC_024094	MGC16121,MIR424	chrX:133677406-133680741	0	1
XLOC_024095	XLOC_024095	MIR503	chrX:133677406-133680741	0	1
XLOC_024099	XLOC_024099	FAM127C	chrX:134154533-134156566	0	1
XLOC_024100	XLOC_024100	FAM127B	chrX:134184962-134186221	0	1
XLOC_024101	XLOC_024101	LINC00087	chrX:134229014-134232733	0	1
XLOC_024105	XLOC_024105	CT45A4	chrX:134928696-134936735	0	1
XLOC_024107	XLOC_024107	CT45A6	chrX:134963214-134971244	0	1
XLOC_024112	XLOC_024112	SNORD61	chrX:135951352-135962939	0	1
XLOC_024113	XLOC_024113	GPR101	chrX:136112306-136113833	0	1
XLOC_024114	XLOC_024114	LOC158696	chrX:137696891-137699799	0	1
XLOC_024116	XLOC_024116	MIR504	chrX:137713733-138287185	0	1

XLOC_024119	XLOC_024119	MIR505	chrX:139006306-139006390	0	1
XLOC_024120	XLOC_024120	CXorf66	chrX:139037883-139047677	0	1
XLOC_024121	XLOC_024121	SOX3	chrX:139585151-139587225	0	1
XLOC_024122	XLOC_024122	CDR1	chrX:139865424-139866723	0	1
XLOC_024123	XLOC_024123	MIR320D2	chrX:140008336-140008384	0	1
XLOC_024124	XLOC_024124	LDOC1	chrX:140269930-140271310	0	1
XLOC_024125	XLOC_024125	SPANXC	chrX:140335595-140336646	0	1
XLOC_024126	XLOC_024126	SPANXA2	chrX:140590842-140738069	0	1
XLOC_024128	XLOC_024128	MAGEC2	chrX:141290127-141293076	0	1
XLOC_024129	XLOC_024129	SPANXN3	chrX:142596563-142605307	0	1
XLOC_024130	XLOC_024130	SLITRK4	chrX:142710594-142723926	0	1
XLOC_024131	XLOC_024131	SPANXN2	chrX:142795054-142804516	0	1
XLOC_024132	XLOC_024132	MIR890	chrX:145075792-145075869	0	1
XLOC_024133	XLOC_024133	MIR888	chrX:145076301-145076378	0	1
XLOC_024134	XLOC_024134	MIR892A	chrX:145078186-145078261	0	1
XLOC_024135	XLOC_024135	MIR892B	chrX:145078715-145078792	0	1
XLOC_024136	XLOC_024136	MIR891B	chrX:145082570-145082649	0	1
XLOC_024137	XLOC_024137	MIR891A	chrX:145109311-145109390	0	1
XLOC_024138	XLOC_024138	CXorf51A	chrX:145895621-145896249	0	1
XLOC_024139	XLOC_024139	MIR506	chrX:146312237-146312361	0	1
XLOC_024140	XLOC_024140	MIR507	chrX:146312501-146312595	0	1
XLOC_024141	XLOC_024141	MIR508	chrX:146318430-146318545	0	1
XLOC_024142	XLOC_024142	MIR514B	chrX:146331668-146331748	0	1
XLOC_024143	XLOC_024143	MIR509-1	chrX:146340277-146340368	0	1
XLOC_024144	XLOC_024144	MIR509-3	chrX:146341169-146341244	0	1
XLOC_024145	XLOC_024145	MIR509-1	chrX:146342049-146342143	0	1
XLOC_024146	XLOC_024146	MIR510	chrX:146353852-146353926	0	1
XLOC_024147	XLOC_024147	MIR514A1	chrX:146360764-146360862	0	1
XLOC_024148	XLOC_024148	MIR514A2	chrX:146363460-146363548	0	1
XLOC_024149	XLOC_024149	MIR514A3	chrX:146366158-146366246	0	1
XLOC_024153	XLOC_024153	MAGEA9B	chrX:148663308-148669116	0	1
XLOC_024154	XLOC_024154	HSFX2	chrX:148674171-148676974	0	1
XLOC_024158	XLOC_024158	GABRE	chrX:151121595-151143151	0	1
XLOC_024159	XLOC_024159	MIR452	chrX:151121595-151143151	0	1
XLOC_024161	XLOC_024161	GABRA3	chrX:151335633-151619831	0	1
XLOC_024162	XLOC_024162	MIR105-1	chrX:151335633-151619831	0	1
XLOC_024163	XLOC_024163	MIR767	chrX:151335633-151619831	0	1
XLOC_024164	XLOC_024164	MIR105-2	chrX:151335633-151619831	0	1
XLOC_024165	XLOC_024165	CSAG2,CSAG3	chrX:151876742-151877747	0	1
XLOC_024167	XLOC_024167	MAGEA2,MAGEA2B	chrX:151918387-151922364	0	1
XLOC_024168	XLOC_024168	MAGEA3	chrX:151934651-151938240	0	1
XLOC_024170	XLOC_024170	PNMA5	chrX:152157367-152162671	0	1
XLOC_024171	XLOC_024171	PNMA6D	chrX:152243995-152246070	0	1
XLOC_024172	XLOC_024172	MAGEA1	chrX:152481521-152486116	0	1
XLOC_024179	XLOC_024179	PDZD4	chrX:153067622-153096003	0	1
XLOC_024185	XLOC_024185	MIR3202-2	chrX:153237990-153248646	0	1
XLOC_024187	XLOC_024187	MIR718	chrX:153285370-153285440	0	1
XLOC_024189	XLOC_024189	TEX28	chrX:153485202-153523564	0	1
XLOC_024197	XLOC_024197	CTAG1A	chrX:153845864-153847522	0	1
XLOC_024199	XLOC_024199	CTAG2	chrX:153880245-153881853	0	1
XLOC_024204	XLOC_024204	MIR1184-1	chrX:154064063-154250998	0	1
XLOC_024209	XLOC_024209	MIR1184-3	chrX:154611748-154613450	0	1
XLOC_024210	XLOC_024210	FBA1	chrX:154686574-154688276	0	1
XLOC_024211	XLOC_024211	H2AFB3	chrX:154689079-154689596	0	1
XLOC_024213	XLOC_024213	PLCXD1	chrY:142990-170022	0	1
XLOC_024214	XLOC_024214	LINC00685	chrY:231384-232054	0	1
XLOC_024215	XLOC_024215	SHOX	chrY:535078-570146	0	1
XLOC_024216	XLOC_024216	CSF2RA	chrY:1337692-1378828	0	1
XLOC_024217	XLOC_024217	MIR3690	chrY:1337692-1378828	0	1
XLOC_024218	XLOC_024218	IL3RA	chrY:1405508-1451582	0	1
XLOC_024219	XLOC_024219	ASMTL-AS1	chrY:1469423-1522655	0	1
XLOC_024220	XLOC_024220	AKAP17A,ASMT	chrY:1660485-1711974	0	1
XLOC_024221	XLOC_024221	CD99P1	chrY:2477305-2525270	0	1
XLOC_024222	XLOC_024222	CD99	chrY:2559227-2609350	0	1
XLOC_024223	XLOC_024223	XGFPY2	chrY:2620336-2643037	0	1
XLOC_024224	XLOC_024224	RPS4Y1	chrY:2709622-2734997	0	1
XLOC_024225	XLOC_024225	ZFY	chrY:2803111-2850547	0	1
XLOC_024226	XLOC_024226	LINC00278	chrY:2871036-2970313	0	1
XLOC_024227	XLOC_024227	TGIF2LY	chrY:3447125-3448082	0	1
XLOC_024229	XLOC_024229	TSPY2	chrY:6114263-6117053	0	1
XLOC_024230	XLOC_024230	TTY1B	chrY:6258441-6296485	0	1
XLOC_024231	XLOC_024231	TTY21	chrY:6311474-6315118	0	1
XLOC_024232	XLOC_024232	TTY7,TTY7B	chrY:6317508-6325947	0	1
XLOC_024233	XLOC_024233	TBL1Y	chrY:6778726-6959724	0	1
XLOC_024234	XLOC_024234	PRKY	chrY:7142012-7249588	0	1
XLOC_024235	XLOC_024235	TTY12	chrY:7672964-7678723	0	1
XLOC_024236	XLOC_024236	TTY19	chrY:8572512-8573324	0	1
XLOC_024237	XLOC_024237	TSPY3,TSPY4,TSPY8	chrY:9195451-9368285	0	1
XLOC_024238	XLOC_024238	TSPY1	chrY:9195451-9368285	0	1

XLOC_024239	XLOC_024239	TTY8B	chrY:9528708-9531308	0	1
XLOC_024240	XLOC_024240	TTY2	chrY:9573894-9611928	0	1
XLOC_024241	XLOC_024241	TTY22	chrY:9638761-9650854	0	1
XLOC_024242	XLOC_024242	TTY23B	chrY:9748406-9749571	0	1
XLOC_024243	XLOC_024243	TTY15	chrY:14774297-14804153	0	1
XLOC_024244	XLOC_024244	USP9Y	chrY:14813159-14972768	0	1
XLOC_024245	XLOC_024245	DDX3Y	chrY:15016018-15032390	0	1
XLOC_024246	XLOC_024246	TMSB4Y	chrY:15815446-15817902	0	1
XLOC_024247	XLOC_024247	VCY	chrY:16168097-16168838	0	1
XLOC_024248	XLOC_024248	NLGN4Y	chrY:16634487-16955848	0	1
XLOC_024249	XLOC_024249	FAM41AY1	chrY:19612837-19628622	0	1
XLOC_024250	XLOC_024250	CDY2A,CDY2B	chrY:20137666-20139627	0	1
XLOC_024251	XLOC_024251	XKRY	chrY:20297334-20298915	0	1
XLOC_024252	XLOC_024252	FAM224A,FAM224B	chrY:20488418-20492736	0	1
XLOC_024253	XLOC_024253	HSFY1,HSFY2	chrY:20708556-20752407	0	1
XLOC_024254	XLOC_024254	TTY9A	chrY:20891767-20935621	0	1
XLOC_024255	XLOC_024255	XLNG2P	chrY:21729243-21769056	0	1
XLOC_024256	XLOC_024256	EIF1AY	chrY:22737610-22755040	0	1
XLOC_024257	XLOC_024257	RPS4Y2	chrY:22917953-22942918	0	1
XLOC_024258	XLOC_024258	RBMY1B	chrY:23673223-23687672	0	1
XLOC_024259	XLOC_024259	RBMY1B	chrY:23696764-23711212	0	1
XLOC_024260	XLOC_024260	TTY6,TTY6B	chrY:24291111-24292981	0	1
XLOC_024261	XLOC_024261	RBMY1F,RBMY1J	chrY:24455005-24564028	0	1
XLOC_024262	XLOC_024262	PRY2	chrY:24636543-24660784	0	1
XLOC_024263	XLOC_024263	TTY17C	chrY:24997730-24998862	0	1
XLOC_024264	XLOC_024264	TTY4	chrY:25082601-25119431	0	1
XLOC_024265	XLOC_024265	BPY2	chrY:25130409-25151610	0	1
XLOC_024266	XLOC_024266	DAZ2,DAZ3,DAZ4	chrY:25365580-25437503	0	1
XLOC_024267	XLOC_024267	TTY17C	chrY:26631478-26632610	0	1
XLOC_024268	XLOC_024268	TTY4	chrY:26716348-26753172	0	1
XLOC_024269	XLOC_024269	BPY2	chrY:26764150-26785352	0	1
XLOC_024270	XLOC_024270	DAZ2,DAZ3,DAZ4	chrY:26979966-27053187	0	1
XLOC_024271	XLOC_024271	GOLGA2P2Y	chrY:27601457-27606322	0	1
XLOC_024272	XLOC_024272	CSPG4P1Y	chrY:27629054-27632852	0	1
XLOC_024273	XLOC_024273	CDY1	chrY:27768263-27771048	0	1
XLOC_024274	XLOC_024274	TTY3	chrY:27874636-27879535	0	1
XLOC_024275	XLOC_024275	SPRY3	chrY:59100456-59115123	0	1
XLOC_024276	XLOC_024276	VAMP7	chrY:59213948-59276439	0	1
XLOC_024277	XLOC_024277	IL9R	chrY:59330251-59343488	0	1
XLOC_024278	XLOC_024278	GTPBP6	chrY:171425-180887	0	1
XLOC_024279	XLOC_024279	PPP2R3B	chrY:244667-297690	0	1
XLOC_024280	XLOC_024280	CRLF2	chrY:1264886-1281530	0	1
XLOC_024281	XLOC_024281	SLC25A6	chrY:1455044-1461039	0	1
XLOC_024282	XLOC_024282	ASMTL	chrY:1469423-1522655	0	1
XLOC_024283	XLOC_024283	P2RY8	chrY:1531465-1606037	0	1
XLOC_024284	XLOC_024284	DHRX,ZBED1	chrY:2087554-2369015	0	1
XLOC_024285	XLOC_024285	SRY	chrY:2654895-2655792	0	1
XLOC_024286	XLOC_024286	TTY23B	chrY:6110486-6111651	0	1
XLOC_024287	XLOC_024287	TTY2	chrY:6258441-6296485	0	1
XLOC_024288	XLOC_024288	TTY8B	chrY:6339071-6341671	0	1
XLOC_024289	XLOC_024289	AMELY	chrY:6733958-6742068	0	1
XLOC_024290	XLOC_024290	TTY16	chrY:7567397-7569288	0	1
XLOC_024291	XLOC_024291	TTY18	chrY:8551410-8551919	0	1
XLOC_024292	XLOC_024292	TTY11	chrY:8651358-8685423	0	1
XLOC_024293	XLOC_024293	RBMY1A3P	chrY:9154669-9160483	0	1
XLOC_024294	XLOC_024294	TTY20	chrY:9167488-9172441	0	1
XLOC_024295	XLOC_024295	FAM197Y5	chrY:9187188-9192791	0	1
XLOC_024296	XLOC_024296	FAM197Y5	chrY:9195451-9368285	0	1
XLOC_024297	XLOC_024297	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	1
XLOC_024298	XLOC_024298	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	1
XLOC_024299	XLOC_024299	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	1
XLOC_024300	XLOC_024300	RBMY3AP	chrY:9448329-9452762	0	1
XLOC_024301	XLOC_024301	TTY7,TTY7B	chrY:9544432-9552871	0	1
XLOC_024302	XLOC_024302	TTY21	chrY:9555261-9558905	0	1
XLOC_024303	XLOC_024303	TTY1B	chrY:9573894-9611928	0	1
XLOC_024306	XLOC_024306	VCY	chrY:16097651-16098392	0	1
XLOC_024307	XLOC_024307	NLGN4Y-AS1	chrY:16634487-16955848	0	1
XLOC_024308	XLOC_024308	FAM224A,FAM224B	chrY:19687040-19691353	0	1
XLOC_024309	XLOC_024309	XKRY2	chrY:19880859-19882440	0	1
XLOC_024310	XLOC_024310	CDY2A,CDY2B	chrY:19990139-19992100	0	1
XLOC_024311	XLOC_024311	FAM41AY2	chrY:20551155-20566932	0	1
XLOC_024312	XLOC_024312	TTY9B	chrY:20708556-20752407	0	1
XLOC_024313	XLOC_024313	HSFY1,HSFY2	chrY:20891767-20935621	0	1
XLOC_024314	XLOC_024314	NCRNA00185	chrY:21034386-21040114	0	1
XLOC_024315	XLOC_024315	TTY14	chrY:21094584-21239302	0	1
XLOC_024317	XLOC_024317	BCORP1	chrY:21617316-21665039	0	1
XLOC_024318	XLOC_024318	KDM5D	chrY:21867300-21906825	0	1
XLOC_024319	XLOC_024319	TTY10	chrY:22627553-22681114	0	1
XLOC_024320	XLOC_024320	RBMY2EP	chrY:23557033-23563448	0	1

XLOC_024321	XLOC_024321	TTY13	chrY:23745485-23756552	0	1
XLOC_024322	XLOC_024322	RBMY1B	chrY:24026222-24040673	0	1
XLOC_024323	XLOC_024323	RBMY1B	chrY:24049764-24064214	0	1
XLOC_024324	XLOC_024324	PRY	chrY:24217902-24242154	0	1
XLOC_024325	XLOC_024325	RBMY1J	chrY:24314688-24329089	0	1
XLOC_024326	XLOC_024326	TTY5	chrY:24442944-24445023	0	1
XLOC_024327	XLOC_024327	TTY6,TTY6B	chrY:24585736-24587606	0	1
XLOC_024328	XLOC_024328	DAZ1,DAZ4	chrY:25275501-25345254	0	1
XLOC_024329	XLOC_024329	TTY3B	chrY:26082873-26087769	0	1
XLOC_024330	XLOC_024330	CDY1	chrY:26191376-26194161	0	1
XLOC_024331	XLOC_024331	CSPG4P1Y	chrY:26329580-26333378	0	1
XLOC_024332	XLOC_024332	GOLGA2P2Y	chrY:26356113-26360978	0	1
XLOC_024333	XLOC_024333	DAZ3,DAZ4	chrY:26909215-26959639	0	1
XLOC_024334	XLOC_024334	BPY2C	chrY:27177049-27198251	0	1
XLOC_024335	XLOC_024335	TTY4B	chrY:27209229-27246039	0	1
XLOC_024336	XLOC_024336	TTY17B	chrY:27329789-27330920	0	1
XLOC_006652	XLOC_006652	KIF26A	chr14:104605059-104647235	1.56E-05	0.999791
XLOC_019038	XLOC_019038	CDK19	chr6:110931180-111136412	7.86E-05	0.999791
XLOC_002358	XLOC_002358	RPP38	chr10:15137383-15146256	0.000118404	0.999791
XLOC_022356	XLOC_022356	ALDH1B1	chr9:38392660-38398662	0.000130112	0.999791
XLOC_014482	XLOC_014482	ASPHD2	chr22:26825279-26840978	0.000131749	0.999791
XLOC_001672	XLOC_001672	SASS6	chr1:100549101-100598511	0.000150405	0.999791
XLOC_022198	XLOC_022198	PTK2	chr8:141668480-142011412	0.000170834	0.999791
XLOC_001585	XLOC_001585	DOCK7	chr1:62920396-63154039	0.000186513	0.999791
XLOC_004215	XLOC_004215	UBE2L6	chr1:157319127-57335803	0.000295482	0.999791
XLOC_021532	XLOC_021532	FZD3	chr8:28351721-28431785	0.00035881	0.999791
XLOC_013790	XLOC_013790	DNAJC5	chr20:62526454-62567384	0.000363182	0.999791
XLOC_004868	XLOC_004868	ESPL1	chr12:53662082-53687427	0.00036511	0.999791
XLOC_008103	XLOC_008103	RBL2	chr16:53468350-53537170	0.000430454	0.999791
XLOC_022698	XLOC_022698	EHMT1	chr9:140513443-140730578	0.000480863	0.999791
XLOC_010724	XLOC_010724	ZNF430	chr19:21203425-21242852	0.000490878	0.999791
XLOC_008239	XLOC_008239	NUDT7	chr16:77756388-77776157	0.000507443	0.999791
XLOC_008443	XLOC_008443	RPS15A	chr16:18794276-18801656	0.00052681	0.999791
XLOC_002644	XLOC_002644	PAX2	chr10:102505467-102589698	0.000540514	0.999791
XLOC_022586	XLOC_022586	URM1	chr9:131133597-131154295	0.000552479	0.999791
XLOC_007347	XLOC_007347	MESDC1	chr15:81293294-81296345	0.000589264	0.999791
XLOC_002664	XLOC_002664	FBXL15	chr10:104162373-104182893	0.000592899	0.999791
XLOC_005060	XLOC_005060	PARPBP	chr12:102513955-102591614	0.000669471	0.999791
XLOC_015054	XLOC_015054	ABHD5	chr3:43732374-43764217	0.000688517	0.999791
XLOC_022865	XLOC_022865	CBWD6	chr9:69204537-69262593	0.000692378	0.999791
XLOC_004978	XLOC_004978	SLC35E3	chr12:69139935-69159853	0.000736968	0.999791
XLOC_011765	XLOC_011765	DMWD	chr19:46286263-46296060	0.000742462	0.999791
XLOC_005711	XLOC_005711	DDX54	chr12:113587662-113623284	0.000776002	0.999791
XLOC_021161	XLOC_021161	SAMD9	chr7:92728825-92747336	0.000786277	1
XLOC_011014	XLOC_011014	PPFIA3	chr19:49622662-49654280	0.000828388	0.999791
XLOC_003138	XLOC_003138	GPAM	chr10:113909621-113943537	0.000877723	0.999791
XLOC_013083	XLOC_013083	FHL2	chr2:105977282-106055230	0.000903738	0.999791
XLOC_020611	XLOC_020611	CASD1	chr7:94139169-94186328	0.00090401	0.999791
XLOC_000347	XLOC_000347	RNF220	chr1:44870959-45117396	0.000952196	0.999791
XLOC_010541	XLOC_010541	TRAPPC5	chr19:7745706-7747748	0.000968291	0.999791
XLOC_008981	XLOC_008981	TMEM98	chr17:31254927-31288667	0.00103742	0.999791
XLOC_011743	XLOC_011743	ZNF180	chr19:44979858-45004574	0.00105141	0.999791
XLOC_004564	XLOC_004564	DDX6	chr11:118618472-118661972	0.0010539	0.999791
XLOC_005912	XLOC_005912	SUGT1	chr13:53226830-53262433	0.00114323	0.999791
XLOC_018317	XLOC_018317	MAD2L1BP	chr6:43597278-43608688	0.00116687	0.999791
XLOC_013757	XLOC_013757	SS18L1	chr20:60718821-60757566	0.00123008	0.999791
XLOC_017058	XLOC_017058	NKD2	chr5:1009076-1038927	0.00126645	0.999791
XLOC_006356	XLOC_006356	GPR137C	chr14:53019865-53104431	0.00130224	1
XLOC_019029	XLOC_019029	CD164	chr6:109687716-109703762	0.00137179	0.999791
XLOC_011082	XLOC_011082	ZNF480	chr19:52800425-52829174	0.00138917	0.999791
XLOC_003338	XLOC_003338	TEAD1	chr11:12695968-12966284	0.00140411	0.999791
XLOC_015045	XLOC_015045	NKTR	chr3:42589458-42690233	0.00147905	0.999791
XLOC_015993	XLOC_015993	PLSCR1	chr3:146232966-146262628	0.00150054	0.999791
XLOC_013363	XLOC_013363	RNF25	chr2:219528586-219567440	0.00150538	0.999791
XLOC_011347	XLOC_011347	NDUFA11	chr19:5891286-5904024	0.00152186	0.999791
XLOC_007705	XLOC_007705	NRG4	chr15:76234327-76304785	0.00152466	0.999791
XLOC_000309	XLOC_000309	ZFP69	chr1:40943301-40962015	0.0015575	0.999791
XLOC_010763	XLOC_010763	LSM14A	chr19:34663351-34720420	0.00155997	0.999791
XLOC_006903	XLOC_006903	TGFB3	chr14:76424441-76448092	0.00156299	0.999791
XLOC_008478	XLOC_008478	ARHGAP17	chr16:24930711-25026675	0.0015685	0.999791
XLOC_015107	XLOC_015107	APEH	chr3:49711434-49720934	0.0015915	0.999791
XLOC_020364	XLOC_020364	C7orf26	chr7:6629914-6648355	0.00159674	0.999791
XLOC_003780	XLOC_003780	JRKL	chr1:96123157-96126727	0.00160796	0.999791
XLOC_022175	XLOC_022175	FAM49B	chr8:130851838-131028897	0.00161576	0.999791
XLOC_003001	XLOC_003001	AGAP5	chr10:75434032-75457554	0.00163963	0.999791
XLOC_009673	XLOC_009673	TOP2A	chr17:38544772-38574202	0.00165825	0.999791
XLOC_007941	XLOC_007941	SNN	chr16:11762288-11836648	0.0017098	0.999791
XLOC_011498	XLOC_011498	BRD4	chr19:15348300-15391262	0.00175096	0.999791
XLOC_000211	XLOC_000211	PIGV	chr1:27114453-27124894	0.00180245	0.999791

XLOC_004476	XLOC_004476	SESN3	chr11:94898676-94965705	0.00183102	1
XLOC_022127	XLOC_022127	UBR5	chr8:103264501-103424917	0.00184933	0.999791
XLOC_016625	XLOC_016625	DGKQ	chr4:952671-967348	0.00187347	0.999791
XLOC_021665	XLOC_021665	OSGIN2	chr8:90914095-90940095	0.00188404	0.999791
XLOC_022704	XLOC_022704	WASH1	chr9:11986-29739	0.00191131	0.999791
XLOC_005138	XLOC_005138	GATC	chr12:120884240-120907558	0.00197163	0.999791
XLOC_022046	XLOC_022046	UBE2W	chr8:74692331-74791145	0.00197181	0.999791
XLOC_011447	XLOC_011447	ZNF442	chr19:12460184-12476475	0.00197506	0.999791
XLOC_003865	XLOC_003865	CBL	chr11:119076985-119178859	0.00198885	0.999791
XLOC_004065	XLOC_004065	DENND5A	chr11:9160374-9286873	0.0020034	0.999791
XLOC_013625	XLOC_013625	CEP250	chr20:34043222-34099803	0.00201048	0.999791
XLOC_013904	XLOC_013904	ZNF337	chr20:25654850-25677469	0.00205062	0.999791
XLOC_022119	XLOC_022119	RNF19A	chr8:101269287-101322379	0.00205551	0.999791
XLOC_006824	XLOC_006824	ATG14	chr14:55833108-55878576	0.00213263	0.999791
XLOC_006440	XLOC_006440	PTGR2	chr14:74318533-74352168	0.00216002	0.999791
XLOC_020644	XLOC_020644	STAG3	chr7:99775537-99869855	0.002169	1
XLOC_002215	XLOC_002215	ACBD3	chr1:226332379-226374423	0.0021704	0.999791
XLOC_011836	XLOC_011836	TEAD2	chr19:49838676-49865714	0.0021928	0.999791
XLOC_000682	XLOC_000682	SETDB1	chr1:150898814-150937220	0.00226183	0.999791
XLOC_001918	XLOC_001918	HDGF	chr1:156711898-156722240	0.00227209	0.999791
XLOC_006686	XLOC_006686	TMEM55B	chr14:20926011-20929637	0.00230724	0.999791
XLOC_009799	XLOC_009799	WNT3	chr17:44841686-44896082	0.00235245	0.999791
XLOC_017599	XLOC_017599	MTMR12	chr5:32227110-32313114	0.00235313	0.999791
XLOC_020426	XLOC_020426	DKFZP586H1420	chr7:30409665-30412410	0.00236431	0.999791
XLOC_012257	XLOC_012257	HTRA2	chr2:74753774-74784678	0.00240139	0.999791
XLOC_013135	XLOC_013135	IWS1	chr2:128238382-128284087	0.00245428	0.999791
XLOC_002683	XLOC_002683	GSTO2	chr10:106028630-106059176	0.00246475	0.999791
XLOC_008295	XLOC_008295	SPG7	chr16:89574804-89624174	0.00246482	0.999791
XLOC_021490	XLOC_021490	ATP6V1B2	chr8:20054703-20079207	0.00246734	0.999791
XLOC_011747	XLOC_011747	ZNF296	chr19:45574757-45579688	0.00252615	0.999791
XLOC_023836	XLOC_023836	ZNF182	chrX:47834249-47863394	0.00253878	0.999791
XLOC_023157	XLOC_023157	UBAC1	chr9:138824814-138853226	0.00254379	0.999791
XLOC_008179	XLOC_008179	CTCF	chr16:67596309-67673088	0.00257648	0.999791
XLOC_016192	XLOC_016192	ZBTB49	chr4:4291923-4323513	0.00257995	0.999791
XLOC_000735	XLOC_000735	CREB3L4	chr1:153931574-153950451	0.00260578	0.999791
XLOC_013507	XLOC_013507	CDC25B	chr20:3776400-3786761	0.0026223	0.999791
XLOC_009086	XLOC_009086	RUNDC1	chr17:41132581-41145707	0.00266529	0.999791
XLOC_013336	XLOC_013336	IDH1	chr2:209100952-209119806	0.00267845	0.999791
XLOC_022054	XLOC_022054	MRPS28	chr8:80831094-80942506	0.00268206	0.999791
XLOC_008482	XLOC_008482	IL21R-AS1	chr16:27413482-27464714	0.00272668	1
XLOC_007999	XLOC_007999	PLK1	chr16:23690200-23724821	0.0027268	0.999791
XLOC_017518	XLOC_017518	LOC728554	chr5:177302261-177311269	0.00273743	0.999791
XLOC_013022	XLOC_013022	IMMT	chr2:86371054-8642893	0.00276214	0.999791
XLOC_007276	XLOC_007276	KIF23	chr15:69706626-69740764	0.00276444	0.999791
XLOC_011463	XLOC_011463	DNASE2	chr19:12986024-12992335	0.0027801	0.999791
XLOC_017399	XLOC_017399	RBM27	chr5:145583162-145668784	0.00279326	0.999791
XLOC_022226	XLOC_022226	SCRIB	chr8:144873089-144897549	0.00289368	0.999791
XLOC_010682	XLOC_010682	GLT25D1	chr19:17666510-17693965	0.00291134	0.999791
XLOC_000326	XLOC_000326	ERMAP	chr1:43272722-43310660	0.00293043	0.999791
XLOC_011579	XLOC_011579	UQCRFS1	chr19:29698166-29704136	0.00294046	0.999791
XLOC_023712	XLOC_023712	FAM50A	chrX:153672472-153679002	0.00297995	0.999791
XLOC_022899	XLOC_022899	UBQLN1	chr9:86274877-86323168	0.0030047	0.999791
XLOC_013533	XLOC_013533	NDUFA5	chr20:13765671-13799067	0.00302217	0.999791
XLOC_007843	XLOC_007843	SOX8	chr16:1031807-1036979	0.00306239	0.999791
XLOC_010593	XLOC_010593	CCDC159	chr19:11457180-11465620	0.00312534	0.999791
XLOC_023064	XLOC_023064	STRBP	chr9:125883907-126030855	0.00312984	0.999791
XLOC_017745	XLOC_017745	SPATA9	chr5:94994019-95018714	0.00321559	1
XLOC_013130	XLOC_013130	BIN1	chr2:127805598-127864903	0.00326765	0.999791
XLOC_010111	XLOC_010111	SOGA2	chr18:8717368-8832775	0.00330636	0.999791
XLOC_002984	XLOC_002984	SPOCK2	chr10:73818791-73848790	0.00333762	1
XLOC_022010	XLOC_022010	ASPH	chr8:62200524-62627199	0.00335985	0.999791
XLOC_008368	XLOC_008368	PRSS27	chr16:2762422-2770552	0.00336372	0.999791
XLOC_011472	XLOC_011472	LOC284454.MIR24-2	chr19:13945329-13947173	0.00342867	0.999791
XLOC_020639	XLOC_020639	COP56	chr7:99686582-99689822	0.00349441	0.999791
XLOC_006253	XLOC_006253	PARP2	chr14:20811772-20826063	0.00355804	0.999791
XLOC_004806	XLOC_004806	PPHLN1	chr12:42719946-42842422	0.00360092	0.999791
XLOC_002140	XLOC_002140	DSTYK	chr1:205111630-205180727	0.00369063	0.999791
XLOC_001883	XLOC_001883	KRTCAP2	chr1:155141883-155145804	0.00370568	0.999791
XLOC_009335	XLOC_009335	C17orf89	chr17:79213110-79215098	0.00373272	0.999791
XLOC_012751	XLOC_012751	ANO7	chr2:242127923-242164791	0.00382422	0.999791
XLOC_023186	XLOC_023186	SAPCD2	chr9:139956578-139965028	0.00383858	0.999791
XLOC_021791	XLOC_021791	CYC1	chr8:145149959-145152428	0.0038803	0.999791
XLOC_016087	XLOC_016087	ALG3	chr3:183948316-183967313	0.00390474	0.999791
XLOC_000862	XLOC_000862	SFT2D2	chr1:168195254-168212088	0.00392592	0.999791
XLOC_006104	XLOC_006104	TPT1	chr13:45911303-45915297	0.00394856	0.999791
XLOC_010380	XLOC_010380	FECH	chr18:55212072-55253969	0.00397385	0.999791
XLOC_003132	XLOC_003132	XPNPEP1	chr10:111624523-111683311	0.00403808	0.999791
XLOC_016074	XLOC_016074	MRPL47	chr3:179306254-179322434	0.00406121	0.999791
XLOC_000037	XLOC_000037	FAM213B	chr1:2517898-2564481	0.00412323	0.999791

XLOC_009175	XLOC_009175	NME1,NME1-NME2,NME2	chr17:49230896-49249105	0.00415715	0.999791
XLOC_001528	XLOC_001528	EFCAB14	chr1:47139707-47184736	0.00419243	0.999791
XLOC_003362	XLOC_003362	ZDHHC13	chr11:19138691-19197967	0.00428817	0.999791
XLOC_000731	XLOC_000731	SNAPIN	chr1:153631129-153643504	0.00431901	0.999791
XLOC_018824	XLOC_018824	C6orf1	chr6:34214156-34216904	0.0043895	0.999791
XLOC_000076	XLOC_000076	PGD	chr1:10459084-10480201	0.00439011	0.999791
XLOC_012754	XLOC_012754	BOK	chr2:242483800-242513553	0.00439477	0.999791
XLOC_024108	XLOC_024108	MMGT1	chrX:135044230-135056134	0.0044265	0.999791
XLOC_012178	XLOC_012178	PPP1R21	chr2:48667907-48742531	0.0044985	0.999791
XLOC_000466	XLOC_000466	MSH4	chr1:76262555-76378923	0.00454023	0.999791
XLOC_011258	XLOC_011258	PPAP2C	chr19:281043-291435	0.00455927	0.999791
XLOC_005026	XLOC_005026	CRADD	chr12:94071150-94244531	0.00456841	0.999791
XLOC_015582	XLOC_015582	IQSEC1	chr3:12938541-13114617	0.00458091	0.999791
XLOC_015163	XLOC_015163	KCTD6	chr3:58477822-58488087	0.00458316	0.999791
XLOC_022891	XLOC_022891	RFK	chr9:79000432-79009444	0.00458828	0.999791
XLOC_016288	XLOC_016288	UBE2K	chr4:39699663-39784410	0.00461396	0.999791
XLOC_022405	XLOC_022405	TLE4	chr9:82186877-82341656	0.00464803	0.999791
XLOC_015729	XLOC_015729	IFRD2	chr3:50316517-50330026	0.00465239	0.999791
XLOC_016475	XLOC_016475	UGT8	chr4:115519610-115598202	0.0047086	0.999791
XLOC_023465	XLOC_023465	TAF1	chrX:70430034-70948962	0.00471313	0.999791
XLOC_016004	XLOC_016004	SERP1	chr3:150259779-150264428	0.00472661	0.999791
XLOC_005514	XLOC_005514	DNAJC14	chr12:56211805-56236767	0.0047388	0.999791
XLOC_017390	XLOC_017390	RELL2	chr5:141016516-141030986	0.00474205	0.999791
XLOC_006300	XLOC_006300	TSSK4	chr14:24674925-24677454	0.00475256	1
XLOC_011846	XLOC_011846	PTOV1-AS1	chr19:50341902-50363999	0.00479909	0.999791
XLOC_006364	XLOC_006364	LGALS3	chr14:55595934-55612148	0.0048235	0.999791
XLOC_021168	XLOC_021168	BET1	chr7:93620999-93633690	0.00483504	0.999791
XLOC_021651	XLOC_021651	CHMP4C	chr8:82644687-82671748	0.00483569	0.999791
XLOC_013295	XLOC_013295	SF3B1	chr2:198256697-198299771	0.00484213	0.999791
XLOC_004122	XLOC_004122	LGR4	chr11:27387507-27494334	0.00484911	0.999791
XLOC_010262	XLOC_010262	RBFA	chr18:77794345-77810652	0.00485813	0.999791
XLOC_009481	XLOC_009481	SLC25A35	chr17:8191081-8198170	0.00491785	0.999791
XLOC_011422	XLOC_011422	KRI1	chr19:10654646-10676702	0.00492077	0.999791
XLOC_008723	XLOC_008723	RNF166	chr16:88762902-88772829	0.00496376	0.999791
XLOC_000250	XLOC_000250	KPNA6	chr1:32573643-32642168	0.00496847	0.999791
XLOC_012248	XLOC_012248	TET3	chr2:74273449-74335302	0.00502648	0.999791
XLOC_011071	XLOC_011071	ZNF175	chr19:52074530-52092991	0.00503248	0.999791
XLOC_009048	XLOC_009048	RARA	chr17:38465422-38513895	0.00504897	0.999791
XLOC_011686	XLOC_011686	C19orf54	chr19:41223007-41255828	0.00509517	0.999791
XLOC_022218	XLOC_022218	MROH6	chr8:144648362-144654928	0.00509604	0.999791
XLOC_011547	XLOC_011547	NR2C2AP	chr19:19256375-19314238	0.00511118	0.999791
XLOC_006657	XLOC_006657	ZBTB42	chr14:105266932-105271048	0.00512887	0.999791
XLOC_016632	XLOC_016632	SLBP	chr4:1694526-1714030	0.00531439	0.999791
XLOC_000932	XLOC_000932	RNF2	chr1:185014550-185071740	0.00532554	0.999791
XLOC_003124	XLOC_003124	SH3PXD2A	chr10:105353783-105615164	0.00538235	0.999791
XLOC_016602	XLOC_016602	FAM149A	chr4:187065994-187093817	0.00540572	0.999791
XLOC_015612	XLOC_015612	TOP2B	chr3:25469753-25705863	0.00541646	0.999791
XLOC_012111	XLOC_012111	BRE	chr2:28004265-28561767	0.00543148	0.999791
XLOC_004460	XLOC_004460	SLC36A4	chr11:92880849-92931095	0.00545597	0.999791
XLOC_014850	XLOC_014850	POLR3H	chr22:41865128-41940479	0.00546167	0.999791
XLOC_009101	XLOC_009101	C17orf53	chr17:42219273-42239844	0.00549921	0.999791
XLOC_000289	XLOC_000289	ZC3H12A	chr1:37940118-37949978	0.00553628	0.999791
XLOC_014651	XLOC_014651	SHANK3	chr22:51113069-51171640	0.00555797	0.999791
XLOC_001897	XLOC_001897	KIAA0907	chr1:155882835-155904188	0.0055848	0.999791
XLOC_014125	XLOC_014125	GRIK1-AS2	chr21:30909253-31312282	0.00559602	1
XLOC_011847	XLOC_011847	PNKP	chr19:50364459-50370822	0.00566381	0.999791
XLOC_022581	XLOC_022581	C9orf16	chr9:130922538-130926207	0.00573658	0.999791
XLOC_006849	XLOC_006849	WDR89	chr14:64063756-64108641	0.00574346	0.999791
XLOC_007138	XLOC_007138	EIF2AK4	chr15:40226346-40327797	0.00574993	0.999791
XLOC_022984	XLOC_022984	GRIN3A	chr9:104331633-104500862	0.00577576	1
XLOC_012547	XLOC_012547	NUP35	chr2:183989082-184026408	0.0057922	0.999791
XLOC_009068	XLOC_009068	STAT5A	chr17:40439564-40463960	0.00584302	0.999791
XLOC_013491	XLOC_013491	NOP56	chr20:2633177-2639039	0.005872	0.999791
XLOC_009261	XLOC_009261	RPL38	chr17:72199794-72206019	0.00590011	0.999791
XLOC_012957	XLOC_012957	NFU1	chr2:69623244-69664760	0.00590726	0.999791
XLOC_008702	XLOC_008702	KIAA1609	chr16:84509965-84538288	0.00591134	0.999791
XLOC_016463	XLOC_016463	CCDC109B	chr4:110481354-110608872	0.0059665	0.999791
XLOC_006888	XLOC_006888	ENTPD5	chr14:74433180-74486026	0.00599953	0.999791
XLOC_001463	XLOC_001463	MTF1	chr1:38275238-38325292	0.00604171	0.999791
XLOC_008629	XLOC_008629	GFOD2	chr16:67708435-67753273	0.00608315	0.999791
XLOC_021806	XLOC_021806	LRRC14	chr8:145743348-145754458	0.00608955	0.999791
XLOC_022901	XLOC_022901	KIF27	chr9:86451614-86536380	0.00608971	1
XLOC_000730	XLOC_000730	CHTOP	chr1:153591275-153618782	0.00617201	0.999791
XLOC_003062	XLOC_003062	ALDH18A1	chr10:97365685-97416567	0.00621077	0.999791
XLOC_005696	XLOC_005696	GPN3	chr12:110890290-110928192	0.00621718	0.999791
XLOC_007622	XLOC_007622	FAM96A	chr15:64364760-64386207	0.00626068	0.999791
XLOC_016398	XLOC_016398	BMP2K	chr4:79697531-79833341	0.00629123	0.999791
XLOC_010176	XLOC_010176	C18orf21	chr18:33552587-33559250	0.00630455	0.999791
XLOC_007749	XLOC_007749	BTBD1	chr15:83685180-83736167	0.00634955	0.999791

XLOC_011186	XLOC_011186	RPL28	chr19:55897299-55903451	0.0064195	0.999791
XLOC_005691	XLOC_005691	GLTP	chr12:110288747-110318293	0.00643775	0.999791
XLOC_008242	XLOC_008242	WVOX	chr16:78133326-79246564	0.00644606	0.999791
XLOC_001921	XLOC_001921	ARHGEF11	chr1:156904631-157015162	0.00648551	0.999791
XLOC_007971	XLOC_007971	CCP110	chr16:19535178-19564728	0.00651107	0.999791
XLOC_008068	XLOC_008068	ZNF646	chr16:31085742-31100130	0.00655435	0.999791
XLOC_011517	XLOC_011517	NR2F6	chr19:17342693-17356151	0.006564	0.999791
XLOC_001099	XLOC_001099	GALNT2	chr1:230202955-230417875	0.00657421	0.999791
XLOC_015760	XLOC_015760	NT5DC2	chr3:52529355-52569093	0.00658221	0.999791
XLOC_010692	XLOC_010692	MAST3	chr19:18208602-18262499	0.00660723	0.999791
XLOC_008713	XLOC_008713	MTHFS	chr16:86563781-86588841	0.00661988	0.999791
XLOC_005331	XLOC_005331	WBP11	chr12:14939411-14956401	0.00662938	0.999791
XLOC_009832	XLOC_009832	ZNF652	chr17:47366567-47439835	0.00666549	0.999791
XLOC_014400	XLOC_014400	PEX26	chr22:18560685-18573797	0.00667322	0.999791
XLOC_018263	XLOC_018263	MAPK14	chr6:35995453-36079013	0.00670228	0.999791
XLOC_010455	XLOC_010455	RPS15	chr19:1438362-1440492	0.00674803	0.999791
XLOC_021172	XLOC_021172	PON2	chr7:95034173-95064384	0.00675221	0.999791
XLOC_021910	XLOC_021910	TNFRSF10B	chr8:22844929-22941132	0.00675334	0.999791
XLOC_005240	XLOC_005240	MRPL51	chr12:6601315-6602471	0.0067555	0.999791
XLOC_007467	XLOC_007467	HERC2	chr15:28356182-28567298	0.00682441	0.999791
XLOC_012263	XLOC_012263	MRPL19	chr2:75873908-75889334	0.00685435	0.999791
XLOC_018365	XLOC_018365	PRIM2	chr6:57182421-57513376	0.00686159	0.999791
XLOC_015037	XLOC_015037	RPL14	chr3:40498782-40503863	0.00689028	0.999791
XLOC_008767	XLOC_008767	EMC6	chr17:3539761-3599698	0.0069215	0.999791
XLOC_007896	XLOC_007896	KREMEN2	chr16:3014216-3018384	0.00693685	0.999791
XLOC_016279	XLOC_016279	KLF3	chr4:38614321-38703129	0.0069393	0.999791
XLOC_008954	XLOC_008954	ANKRD13B	chr17:27920526-27948441	0.00695547	0.999791
XLOC_006406	XLOC_006406	GPHN	chr14:66974124-67648525	0.00696011	0.999791
XLOC_012162	XLOC_012162	CAMKMT	chr2:44589042-44999731	0.00696013	0.999791
XLOC_002514	XLOC_002514	NUDT13	chr10:74870209-74891581	0.00696908	0.999791
XLOC_017292	XLOC_017292	PHAX	chr5:125936606-125962944	0.00697768	0.999791
XLOC_010089	XLOC_010089	USP14	chr18:158482-213739	0.00698536	0.999791
XLOC_009801	XLOC_009801	CDC27	chr17:45195310-45266665	0.00699792	0.999791
XLOC_015728	XLOC_015728	LUST	chr3:50126340-50156397	0.00700388	1
XLOC_022552	XLOC_022552	LOC100129034	chr9:127115743-127177752	0.00700712	0.999791
XLOC_011481	XLOC_011481	ASF1B	chr19:14230320-14247440	0.00703279	0.999791
XLOC_007432	XLOC_007432	MEF2A	chr15:100106132-100256629	0.0070991	0.999791
XLOC_015131	XLOC_015131	PARP3	chr3:51976360-51982883	0.0072003	0.999791
XLOC_011631	XLOC_011631	ZNF585B	chr19:37672480-37701451	0.00734909	0.999791
XLOC_023685	XLOC_023685	NSDHL	chrX:151999510-152037907	0.00740006	0.999791
XLOC_008374	XLOC_008374	PKMYT1	chr16:3019341-3030540	0.00746256	0.999791
XLOC_024175	XLOC_024175	FAM58A	chrX:152853382-152864632	0.00749888	0.999791
XLOC_006327	XLOC_006327	PAX9	chr14:37126772-37147011	0.00754005	0.999791
XLOC_003180	XLOC_003180	CTBP2	chr10:126676417-126849624	0.00754449	0.999791
XLOC_017294	XLOC_017294	LMNB1	chr5:126112314-126172712	0.0075964	0.999791
XLOC_004386	XLOC_004386	LOC100133315	chr11:71576554-71639493	0.00761328	0.999791
XLOC_001123	XLOC_001123	MTR	chr1:236958580-237067281	0.00770153	0.999791
XLOC_013723	XLOC_013723	PFDN4	chr20:52824501-52836492	0.00772557	0.999791
XLOC_007874	XLOC_007874	E4F1	chr16:2273566-2285743	0.0077347	0.999791
XLOC_023257	XLOC_023257	HCCS	chrX:1129405-1141204	0.00774709	0.999791
XLOC_023053	XLOC_023053	RBM18	chr9:125001833-125085742	0.00777017	0.999791
XLOC_012276	XLOC_012276	VAMP8	chr2:85804613-85809156	0.00778698	0.999791
XLOC_020402	XLOC_020402	MPP6	chr7:24613084-24727498	0.0078216	0.999791
XLOC_000995	XLOC_000995	MDM4	chr1:204485506-204527248	0.00791235	0.999791
XLOC_007108	XLOC_007108	LOC646278	chr15:29034979-29101720	0.00793314	1
XLOC_015753	XLOC_015753	TWF2	chr3:52262625-52273183	0.00799651	0.999791
XLOC_001017	XLOC_001017	CD55	chr1:207494816-207534311	0.00799962	0.999791
XLOC_001654	XLOC_001654	EVI5	chr1:92974252-93257961	0.00805183	0.999791
XLOC_009660	XLOC_009660	CACNB1	chr17:37329708-37353956	0.00806681	0.999791
XLOC_014017	XLOC_014017	STAU1	chr20:47729875-47804904	0.00809926	0.999791
XLOC_013263	XLOC_013263	CWC22	chr2:180809603-180871780	0.00810074	0.999791
XLOC_015608	XLOC_015608	NKIRAS1	chr3:23933571-23965187	0.0081023	0.999791
XLOC_000191	XLOC_000191	TMEM57	chr1:25757387-25826698	0.00817664	0.999791
XLOC_015344	XLOC_015344	UBA5	chr3:132276981-132593050	0.00818001	0.999791
XLOC_006793	XLOC_006793	RPL36AL	chr14:50085406-50087349	0.00822324	0.999791
XLOC_012334	XLOC_012334	RPL31	chr2:101618690-101767846	0.00827923	0.999791
XLOC_021044	XLOC_021044	PURB	chr7:44915891-44924960	0.00829045	0.999791
XLOC_013192	XLOC_013192	ACVR1	chr2:158592957-158732374	0.00829072	0.999791
XLOC_021474	XLOC_021474	LOC100506990	chr8:12294521-12523120	0.00838163	0.999791
XLOC_017990	XLOC_017990	ZNF354A	chr5:178138521-178157703	0.00838565	0.999791
XLOC_010467	XLOC_010467	OAZ1	chr19:2269519-2273487	0.00843776	0.999791
XLOC_012990	XLOC_012990	RTKN	chr2:74652987-74669060	0.00846192	0.999791
XLOC_001957	XLOC_001957	PEX19	chr1:160246598-160254941	0.00847249	0.999791
XLOC_002377	XLOC_002377	BM11,COMMD3,COMMD3-BM1	chr10:22605311-22620414	0.00849445	0.999791
XLOC_007810	XLOC_007810	MPG	chr16:127017-188697	0.00852223	0.999791
XLOC_017628	XLOC_017628	RPL37	chr5:40831429-40835387	0.00852879	0.999791
XLOC_000772	XLOC_000772	SLC25A44	chr1:156163729-156182587	0.00858373	0.999791
XLOC_014316	XLOC_014316	SETD4	chr21:37406838-37432819	0.00858927	0.999791
XLOC_014201	XLOC_014201	TRAPPC10	chr21:45432205-45526432	0.00861166	0.999791

XLOC_022633	XLOC_022633	RPL7A	chr9:136215068-136218280	0.00864086	0.999791
XLOC_022160	XLOC_022160	C8orf76,ZHX1,ZHX1-C8ORF76	chr8:124232195-124267781	0.00864551	0.999791
XLOC_004092	XLOC_004092	PIK3C2A	chr11:17108123-17191354	0.00870606	0.999791
XLOC_008583	XLOC_008583	AMFR	chr16:56395363-56459450	0.00871738	0.999791
XLOC_008752	XLOC_008752	SERPINF1	chr17:1665258-1680859	0.00877093	1
XLOC_002690	XLOC_002690	SMC3	chr10:112327448-112364392	0.00879422	0.999791
XLOC_010781	XLOC_010781	USF2	chr19:35759895-35770718	0.00879847	0.999791
XLOC_017898	XLOC_017898	RBM22	chr5:150070351-150080669	0.00880242	0.999791
XLOC_000394	XLOC_000394	PRPF38A	chr1:52870218-52883992	0.00884256	0.999791
XLOC_017753	XLOC_017753	CHD1	chr5:98190907-98262238	0.00890435	0.999791
XLOC_012632	XLOC_012632	PKI55	chr2:217081611-217084915	0.00891772	0.999791
XLOC_002099	XLOC_002099	KIF14	chr1:200520624-200589862	0.00891752	0.999791
XLOC_003237	XLOC_003237	TSPAN4	chr11:842823-867116	0.00891967	0.999791
XLOC_001289	XLOC_001289	CASP9	chr1:15818768-15851285	0.00896718	0.999791
XLOC_000470	XLOC_000470	FAM73A	chr1:78245308-78345225	0.00897849	0.999791
XLOC_020453	XLOC_020453	RALA	chr7:39663151-39747723	0.00900051	0.999791
XLOC_015874	XLOC_015874	WDR52	chr3:112931374-113160361	0.00901197	1
XLOC_020978	XLOC_020978	HOXA5	chr7:27179982-27196296	0.00903412	0.999791
XLOC_021467	XLOC_021467	GATA4	chr8:11561716-11617509	0.00905081	0.999791
XLOC_019116	XLOC_019116	CITED2	chr6:139693391-139695787	0.00905716	0.999791
XLOC_007266	XLOC_007266	MAP2K5	chr15:67835020-68099455	0.00905827	0.999791
XLOC_019006	XLOC_019006	FAXC	chr6:99720792-99797531	0.00912481	0.999791
XLOC_021739	XLOC_021739	RNF139	chr8:125487007-125551329	0.00917091	0.999791
XLOC_000609	XLOC_000609	VANGL1	chr1:116184573-116240845	0.00918308	0.999791
XLOC_007836	XLOC_007836	METRN	chr16:765172-767480	0.0092187	0.999791
XLOC_022228	XLOC_022228	NRBP2	chr8:144915754-144923146	0.00923937	0.999791
XLOC_006338	XLOC_006338	PRPF39	chr14:45553301-45603732	0.00924113	0.999791
XLOC_006033	XLOC_006033	C1QTNF9B	chr13:24304327-24471125	0.00924215	1
XLOC_018050	XLOC_018050	TMEM14C	chr6:10723147-10731362	0.00929933	0.999791
XLOC_015536	XLOC_015536	PAK2	chr3:196466727-196559518	0.00939864	0.999791
XLOC_004362	XLOC_004362	NUDT8	chr11:67395408-67397408	0.00940606	0.999791
XLOC_001403	XLOC_001403	MATN1	chr1:31184123-31199593	0.00940938	1
XLOC_001236	XLOC_001236	RPL22	chr1:6245079-6259679	0.00942582	0.999791
XLOC_013132	XLOC_013132	ERCC3	chr2:128014865-128051752	0.00954345	0.999791
XLOC_009204	XLOC_009204	DHX40	chr17:57642885-57685713	0.00958726	0.999791
XLOC_009820	XLOC_009820	HOXB7	chr17:46684594-46688383	0.00965788	0.999791
XLOC_008887	XLOC_008887	MED9	chr17:17380299-17396534	0.00967264	0.999791
XLOC_009454	XLOC_009454	PHF23	chr17:7138346-7142825	0.0096851	0.999791
XLOC_021236	XLOC_021236	RASA4	chr7:102220092-102257205	0.00980475	0.999791
XLOC_008977	XLOC_008977	RHBDL3	chr17:30593194-30651680	0.00985647	0.999791
XLOC_010269	XLOC_010269	YES1	chr18:721591-812327	0.00988868	0.999791
XLOC_023039	XLOC_023039	CDK5RAP2	chr9:123151146-123342448	0.00989672	0.999791
XLOC_003743	XLOC_003743	C11orf73	chr11:86013252-86056985	0.00991257	0.999791
XLOC_020728	XLOC_020728	SND1	chr7:127292201-127732659	0.00993162	0.999791
XLOC_010851	XLOC_010851	SUPT5H	chr19:39936185-39967308	0.00998359	0.999791
XLOC_011699	XLOC_011699	ATP1A3	chr19:42470733-42498428	0.00999538	0.999791
XLOC_006659	XLOC_006659	CEP170B	chr14:105331649-105363107	0.0100388	0.999791
XLOC_003877	XLOC_003877	UBASH3B	chr11:122526397-122685187	0.0101153	0.999791
XLOC_011022	XLOC_011022	RPL13A	chr19:49990810-49995564	0.0101267	0.999791
XLOC_014401	XLOC_014401	TUBA8	chr22:18593452-18614498	0.0101398	0.999791
XLOC_005066	XLOC_005066	TXNRD1	chr12:104609556-104744085	0.010169	0.999791
XLOC_022930	XLOC_022930	SPTLC1	chr9:94793426-94877690	0.0102076	0.999791
XLOC_015741	XLOC_015741	VPRBP	chr3:51428698-51534018	0.0102314	0.999791
XLOC_004869	XLOC_004869	PFDN5	chr12:53689234-53693234	0.0102432	0.999791
XLOC_018254	XLOC_018254	ZNF76	chr6:35227509-35263760	0.0102846	0.999791
XLOC_017125	XLOC_017125	ISL1	chr5:50668570-50690563	0.0103405	1
XLOC_022452	XLOC_022452	C9orf3	chr9:97488950-97849500	0.0103652	0.999791
XLOC_009865	XLOC_009865	MKS1	chr17:56282796-56296966	0.0103756	0.999791
XLOC_016542	XLOC_016542	KIAA0922	chr4:154387497-154557862	0.0104003	0.999791
XLOC_006036	XLOC_006036	PARP4	chr13:24995068-25086948	0.0104368	0.999791
XLOC_014613	XLOC_014613	PARVG	chr22:44568835-44603035	0.0104457	1
XLOC_001953	XLOC_001953	PIGM	chr1:159997461-160001783	0.0104527	0.999791
XLOC_009881	XLOC_009881	PTRH2	chr17:57774666-57784856	0.0104776	0.999791
XLOC_005665	XLOC_005665	NFYB	chr12:104510857-104532040	0.0105077	0.999791
XLOC_000759	XLOC_000759	FDPS	chr1:155278538-155300909	0.0105235	0.999791
XLOC_007690	XLOC_007690	ULK3	chr15:75128458-75135552	0.0105335	0.999791
XLOC_017865	XLOC_017865	ARAP3	chr5:141032967-141061800	0.0105497	0.999791
XLOC_011460	XLOC_011460	HOOK2	chr19:12873816-12886434	0.0106086	0.999791
XLOC_013609	XLOC_013609	ACTL10	chr20:32244892-32262264	0.0106388	0.999791
XLOC_024040	XLOC_024040	RNF113A	chrX:119004494-119010629	0.0106797	0.999791
XLOC_013104	XLOC_013104	LOC541471	chr2:112124590-112252692	0.010684	0.999791
XLOC_000335	XLOC_000335	SZT2	chr1:43855555-43919918	0.0107268	0.999791
XLOC_012049	XLOC_012049	GPCAL1	chr2:10443029-10567743	0.0108233	0.999791
XLOC_014547	XLOC_014547	NOL12	chr22:38082343-38089485	0.0108904	0.999791
XLOC_007873	XLOC_007873	MLST8	chr16:2255177-2261069	0.0109326	0.999791
XLOC_006390	XLOC_006390	SNAPC1	chr14:62229074-62263146	0.0109357	0.999791
XLOC_014358	XLOC_014358	ICOSL	chr21:45646721-45660834	0.0109486	0.999791
XLOC_006351	XLOC_006351	FRMD6	chr14:51921229-52197444	0.0109868	0.999791
XLOC_015877	XLOC_015877	NAA50	chr3:113435306-113465120	0.0110082	0.999791

XLOC_009205	XLOC_009205	CLTC	chr17:57697049-57774317	0.0110101	0.999791
XLOC_010499	XLOC_010499	MPND	chr19:4343523-4360083	0.0110103	0.999791
XLOC_011851	XLOC_011851	VRK3	chr19:50479723-50528805	0.0110178	0.999791
XLOC_012755	XLOC_012755	ATG4B	chr2:242577026-242613271	0.0110276	0.999791
XLOC_012788	XLOC_012788	NOL10	chr2:10710891-10830113	0.0110584	0.999791
XLOC_021719	XLOC_021719	UTP23	chr8:117778741-117786921	0.0111068	0.999791
XLOC_017209	XLOC_017209	JMY	chr5:78531924-78623038	0.0111567	0.999791
XLOC_024068	XLOC_024068	ZDHC9	chrX:128937263-128977910	0.0112502	0.999791
XLOC_020732	XLOC_020732	LEP	chr7:127881330-127897682	0.0112941	1
XLOC_010790	XLOC_010790	TMEM147	chr19:36024313-36038429	0.0112992	0.999791
XLOC_015904	XLOC_015904	KPNA1	chr3:122140747-122233786	0.0113555	0.999791
XLOC_021912	XLOC_021912	TNFRSF10A	chr8:23048969-23082680	0.0113746	0.999791
XLOC_009140	XLOC_009140	SP2	chr17:45973515-46006323	0.0113767	0.999791
XLOC_007693	XLOC_007693	COX5A	chr15:75212616-75230495	0.0114302	0.999791
XLOC_015097	XLOC_015097	ARIH2	chr3:48955220-49022971	0.0114551	0.999791
XLOC_006345	XLOC_006345	ARF6	chr14:50359735-50363772	0.0114631	0.999791
XLOC_006458	XLOC_006458	TTL5	chr14:76127550-76421425	0.0114806	0.999791
XLOC_004260	XLOC_004260	EEF1G	chr11:62327072-62341460	0.0114877	0.999791
XLOC_005512	XLOC_005512	CD63	chr12:56119226-56123457	0.0114904	0.999791
XLOC_013025	XLOC_013025	CHMP3,RNF103,RNF103-CHMP3	chr2:86730552-87005164	0.0115121	0.999791
XLOC_004919	XLOC_004919	RPS26	chr12:56435685-56438007	0.0115666	0.999791
XLOC_002402	XLOC_002402	C10orf68,CCDC7	chr10:32735040-33171792	0.0115748	0.999791
XLOC_022979	XLOC_022979	TEX10	chr9:103064356-103115259	0.0116009	0.999791
XLOC_016471	XLOC_016471	ALPK1	chr4:113218498-113363764	0.0117913	0.999791
XLOC_009427	XLOC_009427	ZNF232	chr17:5009030-5026397	0.0118031	0.999791
XLOC_010713	XLOC_010713	MAU2	chr19:19431629-19469563	0.0118052	0.999791
XLOC_014605	XLOC_014605	RNU12	chr22:43011250-43011399	0.0118406	0.999791
XLOC_016511	XLOC_016511	RAB33B	chr4:140374960-140397069	0.0119074	0.999791
XLOC_002578	XLOC_002578	FAS	chr10:90694830-90775542	0.0119151	0.999791
XLOC_001906	XLOC_001906	C1orf85	chr1:156262477-156265480	0.0119375	0.999791
XLOC_012579	XLOC_012579	SGOL2	chr2:201390864-201448818	0.0119531	0.999791
XLOC_016502	XLOC_016502	C4orf29	chr4:128838959-128952455	0.0120242	0.999791
XLOC_002888	XLOC_002888	SEPT7L	chr10:38671997-38691780	0.0120242	1
XLOC_001098	XLOC_001098	URB2	chr1:229761980-229795946	0.0120443	0.999791
XLOC_012829	XLOC_012829	HADHA	chr2:26413503-26467594	0.0120603	0.999791
XLOC_007281	XLOC_007281	THSD4	chr15:71433787-72075722	0.0121112	1
XLOC_000116	XLOC_000116	EFHD2	chr1:15736390-15756839	0.0122109	0.999791
XLOC_004967	XLOC_004967	TBC1D30	chr12:65218351-65274798	0.0122583	1
XLOC_020985	XLOC_020985	HIBADH	chr7:27565058-27702620	0.0122626	0.999791
XLOC_004486	XLOC_004486	TMEM123	chr11:102267055-102323775	0.0122983	0.999791
XLOC_013848	XLOC_013848	LINC00654	chr20:5479217-5485242	0.0123016	1
XLOC_010922	XLOC_010922	PVR	chr19:45147097-45169428	0.0123171	0.999791
XLOC_021484	XLOC_021484	PCM1	chr8:17780365-17887457	0.0123197	0.999791
XLOC_000649	XLOC_000649	PDIA3P	chr1:146649429-146651528	0.0123265	0.999791
XLOC_022097	XLOC_022097	KIAA1429	chr8:95500004-95565746	0.0123329	0.999791
XLOC_013871	XLOC_013871	OVOL2	chr20:18004795-18038521	0.0125255	0.999791
XLOC_005096	XLOC_005096	ATP2A2	chr12:110719031-110788897	0.0126236	0.999791
XLOC_014684	XLOC_014684	TRMT2A	chr22:20067754-20104818	0.0126388	0.999791
XLOC_015944	XLOC_015944	EFCAB12	chr3:129120163-129147494	0.0126442	1
XLOC_002098	XLOC_002098	ZNF281	chr1:200375419-200379166	0.0126616	0.999791
XLOC_022732	XLOC_022732	PSIP1	chr9:15464064-15511003	0.0127216	0.999791
XLOC_003330	XLOC_003330	AMPD3	chr11:10471867-10529126	0.0127424	0.999791
XLOC_015794	XLOC_015794	FHIT	chr3:59735035-61237133	0.0128032	0.999791
XLOC_002966	XLOC_002966	DNA2	chr10:70173820-70231730	0.0128403	0.999791
XLOC_001631	XLOC_001631	BCL10	chr1:85731459-85743771	0.0128511	0.999791
XLOC_006985	XLOC_006985	BAG5	chr14:104022880-104029151	0.0128775	0.999791
XLOC_016323	XLOC_016323	TMEM165	chr4:56262079-56292342	0.0129115	0.999791
XLOC_014575	XLOC_014575	FAM83F	chr22:40390952-40426043	0.0129132	0.999791
XLOC_011003	XLOC_011003	PPP1R15A	chr19:49375648-49379319	0.0130343	0.999791
XLOC_002843	XLOC_002843	C10orf114	chr10:21783420-21786213	0.0130432	0.999791
XLOC_023025	XLOC_023025	POLE3	chr9:116169517-116191879	0.0130432	0.999791
XLOC_013740	XLOC_013740	RAB22A	chr20:56884770-56942563	0.0131297	0.999791
XLOC_011727	XLOC_011727	XRCC1	chr19:44047463-44079730	0.0132137	0.999791
XLOC_013012	XLOC_013012	RETSAT	chr2:85569077-85581821	0.0132202	0.999791
XLOC_009599	XLOC_009599	TEFM	chr17:29226000-29233286	0.0133041	0.999791
XLOC_017701	XLOC_017701	COL4A3BP	chr5:74666927-74895646	0.0133494	0.999791
XLOC_017279	XLOC_017279	HSD17B4	chr5:118788137-118878030	0.0133656	0.999791
XLOC_007858	XLOC_007858	NUBP2	chr16:1832932-1839192	0.0134073	0.999791
XLOC_003356	XLOC_003356	GTF2H1	chr11:18343815-18388590	0.013472	0.999791
XLOC_008154	XLOC_008154	NDRG4	chr16:58497548-58547523	0.0135045	0.999791
XLOC_004478	XLOC_004478	MTMR2	chr11:95566043-95657371	0.0135677	0.999791
XLOC_015161	XLOC_015161	RPP14	chr3:58291971-58305920	0.0136193	0.999791
XLOC_004262	XLOC_004262	MTA2	chr11:62360674-62369312	0.013626	0.999791
XLOC_003954	XLOC_003954	CHID1	chr11:867858-915058	0.0136283	0.999791
XLOC_005213	XLOC_005213	SLC6A12	chr12:299242-323371	0.0136837	1
XLOC_006931	XLOC_006931	RPS6KA5	chr14:91337166-91526993	0.0136885	1
XLOC_019014	XLOC_019014	HACE1	chr6:105175967-105307794	0.013696	0.999791
XLOC_021554	XLOC_021554	DDHD2	chr8:38089008-38120287	0.0137594	0.999791
XLOC_021657	XLOC_021657	CA2	chr8:86376130-86393721	0.0137641	0.999791

XLOC_002939	XLOC_002939	SGMS1	chr10:52065344-52383737	0.0138183	0.999791
XLOC_013667	XLOC_013667	LOC100505783	chr20:42839599-42854667	0.0138191	0.999791
XLOC_022596	XLOC_022596	ENDOG	chr9:131580778-131592100	0.0138215	0.999791
XLOC_009870	XLOC_009870	SUPT4H1	chr17:56378587-56494931	0.0138236	0.999791
XLOC_017100	XLOC_017100	RAI14	chr5:34656432-34832717	0.0138631	0.999791
XLOC_012464	XLOC_012464	EPC2	chr2:149402559-149545136	0.013914	0.999791
XLOC_011511	XLOC_011511	CHERP	chr19:16607204-16653263	0.0139186	0.999791
XLOC_008461	XLOC_008461	NPIPL3	chr16:21413454-21436658	0.0139544	0.999791
XLOC_014842	XLOC_014842	SLC25A17	chr22:41165638-41215392	0.0139554	0.999791
XLOC_012029	XLOC_012029	TRAPPC12	chr2:3383445-3483342	0.0140082	0.999791
XLOC_004268	XLOC_004268	UBXN1	chr1:162443971-162446527	0.0140272	0.999791
XLOC_012660	XLOC_012660	STK16	chr2:220110191-220136910	0.01403	0.999791
XLOC_011923	XLOC_011923	ZNF816,ZNF816-ZNF321P	chr19:53430387-53466164	0.0140423	0.999791
XLOC_022968	XLOC_022968	XPA	chr9:100437190-100459691	0.0140438	0.999791
XLOC_004141	XLOC_004141	APIP	chr1:34903842-35017675	0.0140873	0.999791
XLOC_009247	XLOC_009247	LINC00674	chr17:66097695-66132070	0.0140935	0.999791
XLOC_011312	XLOC_011312	PIP5K1C	chr19:3630178-3700477	0.0141032	0.999791
XLOC_015326	XLOC_015326	C3orf37	chr3:128997683-129024135	0.0141067	0.999791
XLOC_007538	XLOC_007538	UBR1	chr15:43235097-43398286	0.0141629	0.999791
XLOC_022217	XLOC_022217	ZC3H3	chr8:144519824-144623620	0.0141931	0.999791
XLOC_020710	XLOC_020710	ST7	chr7:116592500-116870075	0.0142362	0.999791
XLOC_017210	XLOC_017210	PAPD4	chr5:78908242-78982471	0.0142375	0.999791
XLOC_011205	XLOC_011205	ZNF583	chr19:56915382-56936400	0.014244	0.999791
XLOC_012425	XLOC_012425	MZT2B	chr2:130908964-130948300	0.0142958	0.999791
XLOC_013903	XLOC_013903	NANP	chr20:25593572-25604648	0.0143468	0.999791
XLOC_008403	XLOC_008403	GLYR1	chr16:4853203-4897303	0.0143705	0.999791
XLOC_010094	XLOC_010094	NDC80	chr18:2571509-2616634	0.0144061	0.999791
XLOC_015873	XLOC_015873	C3orf17	chr3:112721291-112738555	0.0144911	0.999791
XLOC_010470	XLOC_010470	GADD45B	chr19:2476122-2478257	0.0144938	0.999791
XLOC_010841	XLOC_010841	MRPS12	chr19:39405903-39423659	0.0144951	0.999791
XLOC_022314	XLOC_022314	CHMP5	chr9:33264876-33282067	0.0145183	0.999791
XLOC_000881	XLOC_000881	PRRC2C	chr1:171454665-171562650	0.0145492	0.999791
XLOC_013657	XLOC_013657	DHX35	chr20:37590980-37668366	0.0145599	0.999791
XLOC_022681	XLOC_022681	C9orf142	chr9:139886869-139888428	0.014655	0.999791
XLOC_016070	XLOC_016070	TBL1XR1	chr3:176738541-176915048	0.0146944	0.999791
XLOC_009860	XLOC_009860	COIL	chr17:75015560-5038411	0.0147021	0.999791
XLOC_022417	XLOC_022417	DAPK1	chr9:90112755-90323549	0.0147888	0.999791
XLOC_014421	XLOC_014421	ZNF74	chr22:20748404-20762753	0.0148185	0.999791
XLOC_018481	XLOC_018481	RNF217	chr6:125304513-125404661	0.0148521	0.999791
XLOC_022124	XLOC_022124	ZNF706	chr8:102209265-102218292	0.0148851	0.999791
XLOC_004706	XLOC_004706	CLEC4A	chr12:8276227-8291203	0.0149519	0.999791
XLOC_016067	XLOC_016067	NCEH1	chr3:172348434-172429008	0.014953	0.999791
XLOC_005682	XLOC_005682	SSH1	chr12:109176465-109251359	0.014967	0.999791
XLOC_012543	XLOC_012543	SSFA2	chr2:182756471-182795464	0.0149765	0.999791
XLOC_001337	XLOC_001337	ECE1	chr1:21543739-21672034	0.01499	0.999791
XLOC_003948	XLOC_003948	DEAF1	chr11:644224-705028	0.0150141	0.999791
XLOC_011341	XLOC_011341	LONP1	chr19:5691844-5720463	0.0150202	0.999791
XLOC_001636	XLOC_001636	SEP15	chr1:87328127-87380107	0.015073	0.999791
XLOC_020621	XLOC_020621	BRI3	chr7:97910978-98030427	0.0150805	0.999791
XLOC_012207	XLOC_012207	AFTPH	chr2:64751438-64820138	0.0151867	0.999791
XLOC_021775	XLOC_021775	GPIHBP1	chr8:144295067-144299044	0.0152029	1
XLOC_015617	XLOC_015617	SLC4A7	chr3:27414211-27525911	0.0152383	0.999791
XLOC_016683	XLOC_016683	TAPT1	chr4:16162127-16228161	0.0152483	0.999791
XLOC_015100	XLOC_015100	NDUFAF3	chr3:49044636-49060926	0.0152578	0.999791
XLOC_004458	XLOC_004458	CHORDC1	chr11:89933596-89956532	0.0152674	0.999791
XLOC_012226	XLOC_012226	MXD1	chr2:70142172-70170076	0.0152737	0.999791
XLOC_009901	XLOC_009901	CCDC47	chr17:61822609-61851088	0.0152799	0.999791
XLOC_004419	XLOC_004419	PRKRIR	chr1:176061003-176091880	0.0153155	0.999791
XLOC_014590	XLOC_014590	XRCC6	chr22:42017294-42060052	0.0153825	0.999791
XLOC_001912	XLOC_001912	IQGAP3	chr1:156495196-156542396	0.0153857	0.999791
XLOC_021030	XLOC_021030	MRPS24,URGCP,URGCP-MRPS:	chr7:43906156-43965996	0.0153938	0.999791
XLOC_022414	XLOC_022414	NAA35	chr9:88556056-88637217	0.0154326	0.999791
XLOC_001601	XLOC_001601	DEPDC1	chr1:68939834-68962799	0.0154503	0.999791
XLOC_018458	XLOC_018458	DSE	chr6:116601282-116759442	0.0154624	0.999791
XLOC_008230	XLOC_008230	PSMD7	chr16:74330672-74340186	0.0154631	0.999791
XLOC_001077	XLOC_001077	H3F3A	chr1:226250407-226259703	0.0155142	0.999791
XLOC_010670	XLOC_010670	MYO9B	chr19:17186590-17234104	0.0155479	0.999791
XLOC_012550	XLOC_012550	ZC3H15	chr2:187350884-187374087	0.0155497	0.999791
XLOC_013509	XLOC_013509	MAVS	chr20:3827445-3856770	0.0155878	0.999791
XLOC_017188	XLOC_017188	BTF3	chr5:72794249-72801448	0.0155884	0.999791
XLOC_020863	XLOC_020863	SLC4A2	chr7:150755298-150773614	0.0156371	0.999791
XLOC_002062	XLOC_002062	GLUL	chr1:182350838-182361341	0.0156436	0.999791
XLOC_001444	XLOC_001444	CLSPN	chr1:36197712-36235551	0.0156458	0.999791
XLOC_002182	XLOC_002182	USH2A	chr1:215796235-216596738	0.0156489	1
XLOC_006988	XLOC_006988	C14orf2	chr14:104378624-104387903	0.0156768	0.999791
XLOC_007604	XLOC_007604	ADAM10	chr15:58888509-59042177	0.0157427	0.999791
XLOC_000905	XLOC_000905	FAM20B	chr1:178995073-179045702	0.0157482	0.999791
XLOC_009447	XLOC_009447	SLC16A11	chr17:6944948-6947242	0.0157498	1
XLOC_022513	XLOC_022513	PRPF4	chr9:116037913-116055185	0.0158127	0.999791

XLOC_005824	XLOC_005824	RPL21	chr13:27825691-27830702	0.0158536	0.999791
XLOC_008700	XLOC_008700	TAF1C	chr16:84178864-84220676	0.0158615	0.999791
XLOC_003433	XLOC_003433	MDK	chr11:46402333-46405387	0.0159715	0.999791
XLOC_000262	XLOC_000262	RBBP4	chr1:33116748-33168361	0.0159852	0.999791
XLOC_009082	XLOC_009082	AOC2	chr17:40996608-41002724	0.0160014	0.999791
XLOC_004825	XLOC_004825	TUBA1C	chr12:49658864-49667113	0.0160339	0.999791
XLOC_000178	XLOC_000178	PITHD1	chr1:24104875-24114722	0.0160371	0.999791
XLOC_015026	XLOC_015026	WDR48	chr3:39093506-39137881	0.0160505	0.999791
XLOC_002971	XLOC_002971	TYSND1	chr10:71897736-71906496	0.0160591	0.999791
XLOC_010588	XLOC_010588	C19orf52	chr19:11039423-11040916	0.0160656	0.999791
XLOC_022957	XLOC_022957	SLC35D2	chr9:99082987-99145992	0.0160774	0.999791
XLOC_011758	XLOC_011758	EML2	chr19:46112657-46148775	0.0161837	0.999791
XLOC_001075	XLOC_001075	SRP9	chr1:225965514-225978168	0.0161911	0.999791
XLOC_023242	XLOC_023242	XG	chrX:2670092-2734541	0.0162028	1
XLOC_001893	XLOC_001893	ASH1L	chr1:155305051-155533735	0.0162427	0.999791
XLOC_002532	XLOC_002532	RPS24	chr10:79793517-79816571	0.0162497	0.999791
XLOC_000559	XLOC_000559	SCARNA2	chr1:109642814-109643234	0.0162556	0.999791
XLOC_010472	XLOC_010472	ZNF554	chr19:2819871-2836733	0.016349	0.999791
XLOC_015342	XLOC_015342	DNAJC13	chr3:132136552-132257876	0.0163649	0.999791
XLOC_016021	XLOC_016021	PLCH1	chr3:155197670-155421997	0.0163734	0.999791
XLOC_017866	XLOC_017866	PCDH1	chr5:141232672-141257944	0.0163999	0.999791
XLOC_003949	XLOC_003949	PDCC1	chr1:767222-777487	0.0164169	0.999791
XLOC_003308	XLOC_003308	ZNF215	chr11:6947653-6979278	0.016543	0.999791
XLOC_002819	XLOC_002819	PHYH	chr10:13319795-13342130	0.0165452	0.999791
XLOC_003063	XLOC_003063	TCTN3	chr10:97423152-97453900	0.0165454	0.999791
XLOC_000286	XLOC_000286	THRAP3	chr1:36690016-36770957	0.0165711	0.999791
XLOC_015622	XLOC_015622	CMTM6	chr3:32522803-32544403	0.0165771	0.999791
XLOC_005704	XLOC_005704	BRAP	chr12:112079949-112123790	0.0166324	0.999791
XLOC_010361	XLOC_010361	C18orf32,RPL17,RPL17-C18orf32	chr18:47007547-47018935	0.0166362	0.999791
XLOC_007536	XLOC_007536	CDAN1	chr15:43015759-43029417	0.0166444	0.999791
XLOC_001044	XLOC_001044	VASH2	chr1:213123886-213164927	0.0167269	0.999791
XLOC_011584	XLOC_011584	ANKRD27	chr19:33087906-33166102	0.016746	0.999791
XLOC_018111	XLOC_018111	BTN2A3P	chr6:26421618-26430816	0.0168615	1
XLOC_022380	XLOC_022380	CBWD3	chr9:70856838-70914932	0.0168956	1
XLOC_003387	XLOC_003387	PRRG4	chr11:32851480-32879669	0.0169132	0.999791
XLOC_002920	XLOC_002920	BMS1P1	chr10:48927373-48952629	0.016919	1
XLOC_021537	XLOC_021537	DCTN6	chr8:29920257-30108213	0.0169591	0.999791
XLOC_008429	XLOC_008429	PARN	chr16:14529556-14724128	0.0169628	0.999791
XLOC_000596	XLOC_000596	WNT2B	chr1:113010039-113063910	0.0169848	0.999791
XLOC_016712	XLOC_016712	RPL9	chr4:39455744-39460568	0.0170024	0.999791
XLOC_002524	XLOC_002524	ADK	chr10:75910942-76469061	0.0170027	0.999791
XLOC_022576	XLOC_022576	CDK9	chr9:130548304-130553052	0.0170189	0.999791
XLOC_004644	XLOC_004644	ERC1	chr12:1100403-1605099	0.0170409	0.999791
XLOC_012451	XLOC_012451	UBXN4	chr2:136499188-136542633	0.0171777	0.999791
XLOC_013061	XLOC_013061	COA5	chr2:99215785-99224981	0.0172114	0.999791
XLOC_010293	XLOC_010293	PTPN2	chr18:12785476-12884334	0.0173409	0.999791
XLOC_020492	XLOC_020492	LANCL2	chr7:55433140-55501435	0.0173562	0.999791
XLOC_011839	XLOC_011839	PIH1D1	chr19:49949549-49955115	0.0173771	0.999791
XLOC_001868	XLOC_001868	TPM3	chr1:154127779-154164609	0.0174227	0.999791
XLOC_000857	XLOC_000857	POU2F1	chr1:167190065-167396582	0.0175176	0.999791
XLOC_008550	XLOC_008550	UBE2MP1	chr16:34403801-34404762	0.017563	0.999791
XLOC_010862	XLOC_010862	ZNF546	chr19:40502942-40523514	0.0175668	1
XLOC_003709	XLOC_003709	DNAJB13	chr11:73661363-73681332	0.017579	1
XLOC_016269	XLOC_016269	TBC1D19	chr4:26585545-26756918	0.0175843	0.999791
XLOC_006640	XLOC_006640	TNFAIP2	chr14:103592663-103603776	0.0175861	0.999791
XLOC_022496	XLOC_022496	TMEM38B	chr9:108456805-108538892	0.0176251	0.999791
XLOC_022032	XLOC_022032	LOC100505718	chr8:69824037-70016425	0.0176525	0.999791
XLOC_001201	XLOC_001201	AURKAIP1	chr1:1309109-1310818	0.0176592	0.999791
XLOC_006323	XLOC_006323	PSMA6	chr14:35761573-35786682	0.0177006	0.999791
XLOC_015962	XLOC_015962	AMOTL2	chr3:134074189-134093406	0.0177378	0.999791
XLOC_003164	XLOC_003164	TIAL1	chr10:121332977-121356541	0.017748	0.999791
XLOC_017920	XLOC_017920	HAVCR2	chr5:156512842-156536248	0.0177924	1
XLOC_003414	XLOC_003414	ALKBH3	chr11:43902356-43942494	0.0177971	0.999791
XLOC_015381	XLOC_015381	U2SURP	chr3:142720371-142779567	0.0178008	0.999791
XLOC_013639	XLOC_013639	SRC	chr20:35973087-36033821	0.0178412	0.999791
XLOC_007363	XLOC_007363	FAM103A1	chr15:83654954-83680393	0.0178725	0.999791
XLOC_008325	XLOC_008325	RPUSD1	chr16:834973-838383	0.0178951	0.999791
XLOC_003613	XLOC_003613	NEAT1	chr1:65190268-65194003	0.0178988	0.999791
XLOC_016785	XLOC_016785	COX18	chr4:73920415-73935472	0.0179011	0.999791
XLOC_010766	XLOC_010766	PDCC2L	chr19:34895302-34917072	0.0179019	0.999791
XLOC_003679	XLOC_003679	FADD	chr11:70049268-70053508	0.0179469	0.999791
XLOC_015706	XLOC_015706	QARS	chr3:49133364-49142562	0.0179619	0.999791
XLOC_000438	XLOC_000438	RAVER2	chr1:65210777-65432187	0.0179623	0.999791
XLOC_022234	XLOC_022234	SHARPIN	chr8:145153535-145159140	0.0179769	0.999791
XLOC_004074	XLOC_004074	EIF4G2	chr1:10818592-10830582	0.0179975	0.999791
XLOC_018621	XLOC_018621	TUBB2A	chr6:3153901-3157783	0.0180175	0.999791
XLOC_021313	XLOC_021313	ZC3HC1	chr7:129658125-129691233	0.0180474	0.999791
XLOC_022722	XLOC_022722	GLDC	chr9:6532463-6645692	0.0181319	1
XLOC_009369	XLOC_009369	ABR	chr17:906757-1090616	0.0181587	0.999791

XLOC_011285	XLOC_011285	KLF16	chr19:1852397-1863564	0.0181728	0.999791
XLOC_010659	XLOC_010659	TPM4	chr19:16178316-16213813	0.0182007	0.999791
XLOC_015465	XLOC_015465	ATP11B	chr3:182511290-182639421	0.0182017	0.999791
XLOC_009780	XLOC_009780	CCDC43	chr17:42754804-42767165	0.0182339	0.999791
XLOC_021888	XLOC_021888	CNOT7	chr8:17086739-17104387	0.0182514	0.999791
XLOC_021902	XLOC_021902	REEP4	chr8:21995532-21999448	0.0182532	0.999791
XLOC_007342	XLOC_007342	ZFAND6	chr15:80351909-80430735	0.0182692	0.999791
XLOC_005104	XLOC_005104	ACAD10	chr12:112123856-112194911	0.0182847	0.999791
XLOC_017561	XLOC_017561	MRPL36	chr5:1798498-1799956	0.0182938	0.999791
XLOC_002046	XLOC_002046	RFWD2	chr1:175913966-176176370	0.0182996	0.999791
XLOC_017964	XLOC_017964	CLTB	chr5:175819455-175843570	0.0183282	0.999791
XLOC_018267	XLOC_018267	KCTD20	chr6:36358328-36458315	0.0183544	0.999791
XLOC_017673	XLOC_017673	DIMT1	chr5:61684350-61699728	0.0183591	0.999791
XLOC_012306	XLOC_012306	FAHD2A	chr2:96068447-96078879	0.0183686	0.999791
XLOC_014543	XLOC_014543	GGA1	chr22:38004480-38029571	0.0184526	0.999791
XLOC_003819	XLOC_003819	SDHD	chr11:111957570-111966518	0.0184587	0.999791
XLOC_023977	XLOC_023977	TAF7L	chrX:100523240-100548059	0.01848	1
XLOC_005760	XLOC_005760	ZCCHC8	chr12:122956145-122985543	0.018514	0.999791
XLOC_004754	XLOC_004754	MGST1	chr12:16500075-16530123	0.0185324	0.999791
XLOC_023070	XLOC_023070	RPL35	chr9:127615695-127624240	0.0186081	0.999791
XLOC_003399	XLOC_003399	PDHX	chr11:34903842-35017675	0.0186286	0.999791
XLOC_010060	XLOC_010060	OGFOD3	chr17:80347085-80408707	0.0186605	0.999791
XLOC_003695	XLOC_003695	LRTOMT	chr11:71709957-71823822	0.0186987	0.999791
XLOC_005515	XLOC_005515	MMP19	chr12:56211805-56236767	0.0187304	0.999791
XLOC_018081	XLOC_018081	KAAG1	chr6:24171982-24383520	0.0187317	0.999791
XLOC_011231	XLOC_011231	ZNF211	chr19:58144534-58154147	0.0187799	0.999791
XLOC_007379	XLOC_007379	PDE8A	chr15:85523743-85682376	0.0187892	0.999791
XLOC_004156	XLOC_004156	PEX16	chr11:45931219-45939674	0.018885	0.999791
XLOC_014026	XLOC_014026	ADNP	chr20:49506882-49547527	0.0189149	0.999791
XLOC_000782	XLOC_000782	PRCC	chr1:156737273-156770609	0.018944	0.999791
XLOC_006647	XLOC_006647	ZFYVE21	chr14:104182080-104200005	0.0189471	0.999791
XLOC_001108	XLOC_001108	NTPCR	chr1:233086369-233114219	0.0189663	0.999791
XLOC_013897	XLOC_013897	APMAP	chr20:24943579-24973425	0.0189735	0.999791
XLOC_020516	XLOC_020516	CCT6P1	chr7:65111923-65235797	0.0189893	0.999791
XLOC_000298	XLOC_000298	MACF1	chr1:39547088-39952810	0.0189918	0.999791
XLOC_005217	XLOC_005217	RAD52	chr12:1021254-1058863	0.0190023	0.999791
XLOC_018530	XLOC_018530	VTA1	chr6:142468409-142542085	0.0190087	0.999791
XLOC_006993	XLOC_006993	AKT1	chr14:105235686-105262080	0.0190949	0.999791
XLOC_007910	XLOC_007910	ZNF263	chr16:3333486-3341459	0.019109	0.999791
XLOC_000621	XLOC_000621	WDR3	chr1:118472371-118727848	0.019164	0.999791
XLOC_005834	XLOC_005834	POMP	chr13:29233140-29253093	0.0191779	0.999791
XLOC_007833	XLOC_007833	RHOT2	chr16:718082-724174	0.0191987	0.999791
XLOC_022238	XLOC_022238	TMEM249	chr8:145576885-145578574	0.0192595	0.999791
XLOC_013626	XLOC_013626	ERGIC3	chr20:34129777-34145405	0.0193455	0.999791
XLOC_017616	XLOC_017616	NUP155	chr5:37291940-37371197	0.0194339	0.999791
XLOC_021944	XLOC_021944	MBOAT4	chr8:29920257-30108213	0.0194806	1
XLOC_015715	XLOC_015715	RHOA	chr3:49396578-49449526	0.0194895	0.999791
XLOC_007668	XLOC_007668	MYO9A	chr15:72118360-72433311	0.0196524	1
XLOC_010779	XLOC_010779	FXYP5	chr19:35645624-35660788	0.0196962	0.999791
XLOC_001196	XLOC_001196	UBE2J2	chr1:1189291-1209234	0.0197452	0.999791
XLOC_003656	XLOC_003656	ANKRD13D	chr11:67056761-67069955	0.0197465	0.999791
XLOC_023334	XLOC_023334	USP9X	chrX:40944887-41095832	0.0197712	0.999791
XLOC_009976	XLOC_009976	WBP2	chr17:73841779-73851501	0.0198391	0.999791
XLOC_009774	XLOC_009774	UBTF	chr17:42282400-42298994	0.0199069	0.999791
XLOC_008532	XLOC_008532	ZNF668	chr16:31072163-31085641	0.0199198	0.999791
XLOC_009646	XLOC_009646	LOC440434	chr17:36351795-36413256	0.019923	0.999791
XLOC_013844	XLOC_013844	TMEM230	chr20:5080483-5093733	0.0200566	0.999791
XLOC_018666	XLOC_018666	TDP2	chr6:24650204-24667115	0.0201386	0.999791
XLOC_008888	XLOC_008888	RAI1	chr17:17584786-17740325	0.0201589	0.999791
XLOC_002343	XLOC_002343	PROSER2	chr10:11865396-11936709	0.0202155	0.999791
XLOC_004543	XLOC_004543	ZNF259	chr11:116649275-116658739	0.0202671	0.999791
XLOC_015658	XLOC_015658	CDCP1	chr3:45123768-45187914	0.020302	0.999791
XLOC_010531	XLOC_010531	ARHGEF18	chr19:7459998-7537371	0.0203112	0.999791
XLOC_006337	XLOC_006337	FAM179B	chr14:45431415-45543634	0.0203286	0.999791
XLOC_003402	XLOC_003402	FJX1	chr11:35639734-35642421	0.0203661	0.999791
XLOC_021583	XLOC_021583	KIAA0146	chr8:48173488-48648563	0.0203912	0.999791
XLOC_018664	XLOC_018664	GPLD1	chr6:24426061-24489850	0.0204319	1
XLOC_016591	XLOC_016591	CDKN2AIP	chr4:184365788-184369049	0.0204931	0.999791
XLOC_018297	XLOC_018297	UBR2	chr6:42531759-42661243	0.0205165	0.999791
XLOC_007307	XLOC_007307	CPLX3	chr15:75118950-75124136	0.0205311	1
XLOC_005492	XLOC_005492	ATP5G2	chr12:54058943-54070512	0.0205414	0.999791
XLOC_017353	XLOC_017353	PURA	chr5:139493707-139499001	0.0205627	0.999791
XLOC_005648	XLOC_005648	GOLGA2P5	chr12:100550174-100567121	0.0205767	0.999791
XLOC_003975	XLOC_003975	KCNQ1OT1	chr11:2466220-2870340	0.0205959	1
XLOC_010569	XLOC_010569	P2RY11,PPAN,PPAN-P2RY11	chr19:10216898-10230599	0.0207379	0.999791
XLOC_017135	XLOC_017135	GPX8	chr5:54408798-54469005	0.0207572	0.999791
XLOC_001087	XLOC_001087	ARF1	chr1:228270360-228286913	0.0207888	0.999791
XLOC_011005	XLOC_011005	DHDH	chr19:49436938-49448226	0.0207972	0.999791
XLOC_022464	XLOC_022464	FAM22G	chr9:99691285-99704572	0.0208006	1

XLOC_022590	XLOC_022590	GLE1	chr9:131266970-131304580	0.020829	0.999791
XLOC_004525	XLOC_004525	FDXACB1	chr11:111744779-111754797	0.0208781	0.999791
XLOC_006382	XLOC_006382	PCNXL4	chr14:60558628-60601532	0.0208825	0.999791
XLOC_014227	XLOC_014227	PCNT	chr21:47744035-47865682	0.0208983	0.999791
XLOC_015748	XLOC_015748	RPL29	chr3:52027643-52029958	0.0209299	0.999791
XLOC_002400	XLOC_002400	MAP3K8	chr10:30722949-30750762	0.0209363	0.999791
XLOC_023536	XLOC_023536	TCEAL1	chrX:102883647-102885876	0.0210069	0.999791
XLOC_014337	XLOC_014337	PLAC4	chr21:42539727-42648524	0.0210116	1
XLOC_010368	XLOC_010368	MBD1	chr18:47793251-47808144	0.0210183	0.999791
XLOC_019018	XLOC_019018	PREP	chr6:105725441-105850999	0.0210251	0.999791
XLOC_014193	XLOC_014193	NDUFV3	chr21:44313377-44329773	0.0210398	0.999791
XLOC_005743	XLOC_005743	COQ5	chr12:120941081-120966964	0.0210591	0.999791
XLOC_001629	XLOC_001629	SYDE2	chr1:85623355-85666728	0.0210693	0.999791
XLOC_005208	XLOC_005208	ZNF140	chr12:133657036-133684258	0.0210825	0.999791
XLOC_014864	XLOC_014864	RRP7B	chr22:42949924-42978017	0.0210847	0.999791
XLOC_008462	XLOC_008462	LOC100190986	chr16:21443344-21445776	0.0210873	0.999791
XLOC_016001	XLOC_016001	COMMD2	chr3:149456256-149470286	0.0210992	0.999791
XLOC_003892	XLOC_003892	TBRG1	chr11:124492741-124564687	0.0211103	0.999791
XLOC_005804	XLOC_005804	IL17D	chr13:21277481-21297237	0.0211866	0.999791
XLOC_022551	XLOC_022551	NEK6	chr9:127019884-127114719	0.0211893	0.999791
XLOC_001431	XLOC_001431	AK2	chr1:33473540-33502512	0.0212111	0.999791
XLOC_007487	XLOC_007487	SLC12A6	chr15:34517244-34630265	0.0212614	0.999791
XLOC_015441	XLOC_015441	SEC62	chr3:169684579-169716161	0.021337	0.999791
XLOC_022140	XLOC_022140	NUDCD1	chr8:110253147-110346350	0.021361	0.999791
XLOC_003185	XLOC_003185	UROS	chr10:127477146-127511837	0.0214063	0.999791
XLOC_004616	XLOC_004616	RPUSD4	chr11:126071988-126081587	0.0214138	0.999791
XLOC_018170	XLOC_018170	HLA-E	chr6:30457182-30461982	0.0214733	0.999791
XLOC_021035	XLOC_021035	POLD2	chr7:44154278-44163169	0.0214813	0.999791
XLOC_017344	XLOC_017344	REEP2	chr5:137774689-137782658	0.0215143	0.999791
XLOC_023439	XLOC_023439	ZC3H12B	chrX:64708614-64727767	0.0215629	1
XLOC_018193	XLOC_018193	MCCD1	chr6:31496738-31514625	0.0215875	0.999791
XLOC_023203	XLOC_023203	ZMYND19	chr9:140476530-140484937	0.0216502	0.999791
XLOC_017635	XLOC_017635	LOC648987	chr5:43014830-43018913	0.0216572	0.999791
XLOC_022694	XLOC_022694	TOR4A	chr9:140172279-140177093	0.0216586	0.999791
XLOC_005547	XLOC_005547	DCTN2	chr12:57916658-57941114	0.021693	0.999791
XLOC_003762	XLOC_003762	KIAA1731	chr1:193394815-193463522	0.0217152	0.999791
XLOC_009222	XLOC_009222	ACE	chr17:61554421-61575741	0.0217561	0.999791
XLOC_007305	XLOC_007305	CSK	chr15:75074424-75095539	0.0218089	0.999791
XLOC_010334	XLOC_010334	RPRED1A	chr18:33569791-33647373	0.0218212	0.999791
XLOC_014408	XLOC_014408	MRPL40	chr22:19420035-19423596	0.0218237	0.999791
XLOC_018754	XLOC_018754	HLA-C	chr6:31236525-31239913	0.0218476	0.999791
XLOC_010249	XLOC_010249	ZNF407	chr18:72342918-72777628	0.021848	0.999791
XLOC_008168	XLOC_008168	C16orf70	chr16:67143914-67184902	0.0218897	0.999791
XLOC_023586	XLOC_023586	LONRF3	chrX:118108712-118151949	0.0219356	0.999791
XLOC_010058	XLOC_010058	CD7	chr17:80272745-80275480	0.0219958	1
XLOC_001693	XLOC_001693	SORT1	chr1:109852187-109940563	0.0220559	0.999791
XLOC_003150	XLOC_003150	KIAA1598	chr10:118642887-118886097	0.0220585	0.999791
XLOC_017391	XLOC_017391	KIAA0141	chr5:141303384-141321612	0.0220623	0.999791
XLOC_007630	XLOC_007630	SPG21	chr15:65255362-65282251	0.0220899	0.999791
XLOC_017814	XLOC_017814	SAR1B	chr5:133936838-133968533	0.0221085	0.999791
XLOC_017646	XLOC_017646	EMB	chr5:49692030-49737234	0.0221091	0.999791
XLOC_005410	XLOC_005410	SENP1	chr12:48436680-48540187	0.0221586	0.999791
XLOC_023605	XLOC_023605	OCRL	chrX:128674251-128726530	0.0221596	0.999791
XLOC_012422	XLOC_012422	UGGT1	chr2:128848753-128953249	0.0222167	0.999791
XLOC_020660	XLOC_020660	TRIP6	chr7:100464949-100471076	0.0222795	0.999791
XLOC_004549	XLOC_004549	PCSK7	chr11:117075787-117102811	0.0223569	0.999791
XLOC_008687	XLOC_008687	KARS	chr16:75661621-75681585	0.0223781	0.999791
XLOC_014382	XLOC_014382	SLC19A1	chr21:46934628-46962385	0.0224539	0.999791
XLOC_020547	XLOC_020547	EIF4H	chr7:73588705-73611429	0.0226133	0.999791
XLOC_018397	XLOC_018397	MRAP2	chr6:84743419-84800605	0.0226146	0.999791
XLOC_008850	XLOC_008850	NTN1	chr17:8924858-9147317	0.0226712	0.999791
XLOC_011451	XLOC_011451	ZNF564	chr19:12636183-12662356	0.0226778	0.999791
XLOC_022646	XLOC_022646	RXRA	chr9:137218315-137332431	0.02269	0.999791
XLOC_016927	XLOC_016927	MFSD8	chr4:128838959-128952455	0.0226961	0.999791
XLOC_009115	XLOC_009115	HEXIM2	chr17:43238263-43247406	0.0227183	0.999791
XLOC_023946	XLOC_023946	RLIM	chrX:73802810-73834461	0.022733	0.999791
XLOC_000094	XLOC_000094	VPS13D	chr1:12290112-12572098	0.0227415	0.999791
XLOC_017742	XLOC_017742	KIAA0825	chr5:93486555-93954309	0.0227537	1
XLOC_007421	XLOC_007421	LOC440311	chr15:95398591-95400293	0.0227931	1
XLOC_015850	XLOC_015850	RPL24	chr3:101399933-101405563	0.0227952	0.999791
XLOC_002529	XLOC_002529	ZNF503-AS2	chr10:77157602-77168740	0.0229426	0.999791
XLOC_008680	XLOC_008680	BCAR1	chr16:75262927-75301951	0.0230027	0.999791
XLOC_010428	XLOC_010428	FSTL3	chr19:676388-683392	0.0230158	0.999791
XLOC_002697	XLOC_002697	VT11A	chr10:114206755-114578504	0.0230286	0.999791
XLOC_015732	XLOC_015732	HYAL2	chr3:50355220-50360281	0.0230361	0.999791
XLOC_023261	XLOC_023261	PRPS2	chrX:12809473-12842346	0.0230574	0.999791
XLOC_013932	XLOC_013932	AHCY	chr20:32868070-32869608	0.0230694	0.999791
XLOC_000916	XLOC_000916	KIAA1614	chr1:180882312-180915239	0.0231755	1
XLOC_014164	XLOC_014164	SIM2	chr21:38071990-38122510	0.023218	0.999791

XLOC_001258	XLOC_001258	LZIC	chr1:9989775-10002826	0.023226	0.999791
XLOC_007120	XLOC_007120	ARHGAP11A	chr15:32907690-32931868	0.0232687	0.999791
XLOC_008779	XLOC_008779	PLD2	chr17:4710395-4726727	0.0233007	0.999791
XLOC_022884	XLOC_022884	ZFAND5	chr9:74966340-74980163	0.0233522	0.999791
XLOC_004163	XLOC_004163	CKAP5	chr11:46765083-46867859	0.0233683	0.999791
XLOC_020741	XLOC_020741	ATP6V1F	chr7:128502856-128505903	0.0234168	0.999791
XLOC_024035	XLOC_024035	SEPT6	chrX:118749687-118827333	0.0234633	0.999791
XLOC_023794	XLOC_023794	APOO	chrX:23851464-23926057	0.0234839	0.999791
XLOC_007576	XLOC_007576	TRPM7	chr15:50849351-50979012	0.0235539	0.999791
XLOC_016416	XLOC_016416	AFF1	chr4:87856153-88062206	0.0235558	0.999791
XLOC_020810	XLOC_020810	CASP2	chr7:142985307-143004789	0.0236024	0.999791
XLOC_007334	XLOC_007334	CHRNA5	chr15:78857861-78913637	0.0236981	0.999791
XLOC_010189	XLOC_010189	HAUS1	chr18:43684297-43708299	0.0237403	0.999791
XLOC_005653	XLOC_005653	GNPTAB	chr12:102139274-102224645	0.0237498	0.999791
XLOC_011446	XLOC_011446	ZNF563	chr19:12428303-12444534	0.0237529	0.999791
XLOC_022066	XLOC_022066	C8orf59	chr8:86089618-86132643	0.0237649	0.999791
XLOC_017236	XLOC_017236	ANKRD32	chr5:93954390-94031573	0.0238512	0.999791
XLOC_002962	XLOC_002962	HERC4	chr10:69681655-69835103	0.0238621	0.999791
XLOC_008589	XLOC_008589	CIAPIN1	chr16:57462086-57495187	0.0239147	0.999791
XLOC_008102	XLOC_008102	CHD9	chr16:53088944-53361414	0.0239297	0.999791
XLOC_016130	XLOC_016130	LSG1	chr3:194361516-194393206	0.023989	0.999791
XLOC_011483	XLOC_011483	DDX39A	chr19:14519609-14530195	0.0240117	0.999791
XLOC_002441	XLOC_002441	FAM21B	chr10:47894022-47949417	0.0240163	0.999791
XLOC_003027	XLOC_003027	WAPAL	chr10:88195012-88281541	0.0240404	0.999791
XLOC_008092	XLOC_008092	LONP2	chr16:48274602-48420559	0.0241946	0.999791
XLOC_018576	XLOC_018576	TMEM181	chr6:158957467-159056467	0.0242475	0.999791
XLOC_020361	XLOC_020361	USP42	chr7:6144549-6201195	0.0242487	0.999791
XLOC_000675	XLOC_000675	PRPF3	chr1:150293927-150325704	0.0242991	0.999791
XLOC_006767	XLOC_006767	PPP2R3C	chr14:35554677-35591519	0.0243688	0.999791
XLOC_005846	XLOC_005846	BRCA2	chr13:32889616-32973809	0.0243829	1
XLOC_017671	XLOC_017671	ERCC8	chr5:60169658-60240905	0.0243846	0.999791
XLOC_007841	XLOC_007841	CHTF18	chr16:838621-850733	0.0243978	0.999791
XLOC_022423	XLOC_022423	SPIN1	chr9:91003296-91093622	0.0244088	0.999791
XLOC_013047	XLOC_013047	TMEM127	chr2:96915945-96931751	0.0244214	0.999791
XLOC_021387	XLOC_021387	ZNF746	chr7:149169883-149194898	0.0244383	0.999791
XLOC_018523	XLOC_018523	CCDC28A	chr6:139046347-139114456	0.0244523	0.999791
XLOC_011841	XLOC_011841	NOSIP	chr19:50058724-50083829	0.0245374	0.999791
XLOC_024186	XLOC_024186	IRAK1	chrX:153275956-153285342	0.0245585	0.999791
XLOC_013750	XLOC_013750	FAM217B	chr20:58508818-58523702	0.0245784	0.999791
XLOC_001051	XLOC_001051	KCTD3	chr1:215740734-215795149	0.0246082	0.999791
XLOC_009190	XLOC_009190	DYNLL2	chr17:56160779-56167618	0.0246283	0.999791
XLOC_018468	XLOC_018468	NUS1	chr6:117996616-118031866	0.0246969	0.999791
XLOC_021925	XLOC_021925	TRIM35	chr8:27142403-27168834	0.024718	0.999791
XLOC_013063	XLOC_013063	KIAA1211L	chr2:99410308-99552684	0.0247334	1
XLOC_011543	XLOC_011543	HOMER3	chr19:19040009-19052041	0.0247389	0.999791
XLOC_016003	XLOC_016003	PFN2	chr3:149682690-149688741	0.0247863	0.999791
XLOC_006291	XLOC_006291	LRRC16B	chr14:24521205-24538937	0.0249003	0.999791
XLOC_015538	XLOC_015538	LOC1522217	chr3:196669493-196670884	0.0249075	0.999791
XLOC_005386	XLOC_005386	YAF2	chr12:42550906-42632154	0.0249188	0.999791
XLOC_014931	XLOC_014931	MTMR14	chr3:9691116-9744078	0.0249248	0.999791
XLOC_007959	XLOC_007959	ABCC1	chr16:16043433-16236930	0.0249445	0.999791
XLOC_006267	XLOC_006267	RNASE7	chr14:21510384-21512392	0.0249543	1
XLOC_004246	XLOC_004246	VWCE	chr11:61025757-61062788	0.0250026	0.999791
XLOC_010663	XLOC_010663	AP1M1	chr19:16308664-16346156	0.0251176	0.999791
XLOC_012596	XLOC_012596	FAM117B	chr2:203499900-203634480	0.0251281	0.999791
XLOC_001874	XLOC_001874	ADAR	chr1:154554533-154600456	0.0251381	0.999791
XLOC_005391	XLOC_005391	TWF1	chr12:44187525-44200178	0.0251882	0.999791
XLOC_020905	XLOC_020905	SNX8	chr7:2291404-2354099	0.0252064	0.999791
XLOC_012071	XLOC_012071	UBXN2A	chr2:24163375-24223693	0.0252197	0.999791
XLOC_007849	XLOC_007849	BAIAP3	chr16:1383605-1401873	0.0252243	0.999791
XLOC_008160	XLOC_008160	CMTM2	chr16:66613350-66622177	0.0252601	1
XLOC_013573	XLOC_013573	FAM182A	chr20:26035249-26067553	0.0252733	1
XLOC_017695	XLOC_017695	ANKRA2	chr5:72848024-72861511	0.0252734	0.999791
XLOC_008214	XLOC_008214	SF3B3	chr16:70557690-70611571	0.0252761	0.999791
XLOC_022458	XLOC_022458	ERCC6L2	chr9:98568369-98731122	0.0253704	1
XLOC_008733	XLOC_008733	SPATA2L	chr16:89753075-89768121	0.0254846	0.999791
XLOC_009359	XLOC_009359	TBCD	chr17:80709939-80901062	0.0254916	0.999791
XLOC_017891	XLOC_017891	TIGD6	chr5:149372685-149432706	0.0255011	0.999791
XLOC_021317	XLOC_021317	COPG2,TSGA13	chr7:130126015-130371406	0.0255109	0.999791
XLOC_014553	XLOC_014553	MICALL1	chr22:38302154-38338465	0.0255339	0.999791
XLOC_022107	XLOC_022107	MTERFD1	chr8:97251644-97273796	0.0255435	0.999791
XLOC_011589	XLOC_011589	CEBPA	chr19:33790839-33793430	0.0255794	0.999791
XLOC_012988	XLOC_012988	DCTN1	chr2:74588280-74621008	0.025584	0.999791
XLOC_008664	XLOC_008664	AP1G1	chr16:71762904-71842976	0.0255864	0.999791
XLOC_020956	XLOC_020956	RAPGEF5	chr7:22157907-22396533	0.0256062	0.999791
XLOC_007473	XLOC_007473	TJP1	chr15:29992356-30114706	0.025627	0.999791
XLOC_010552	XLOC_010552	ANGPTL4	chr19:8429010-8439257	0.0256754	0.999791
XLOC_008349	XLOC_008349	RPS2	chr16:2012061-2014827	0.0256833	0.999791
XLOC_008483	XLOC_008483	GTF3C1	chr16:27471933-27561251	0.0256971	0.999791

XLOC_016080	XLOC_016080	MCCC1	chr3:182733005-182817365	0.0257012	0.999791
XLOC_005613	XLOC_005613	CEP290	chr12:88429267-88535993	0.0257282	0.999791
XLOC_017115	XLOC_017115	C5orf51	chr5:41904469-41921738	0.0257377	0.999791
XLOC_013020	XLOC_013020	LOC90784	chr2:86247338-86250991	0.0257441	0.999791
XLOC_006455	XLOC_006455	JDP2	chr14:75894508-75939404	0.0257742	0.999791
XLOC_017350	XLOC_017350	UBE2D2	chr5:138940750-139008018	0.0258133	0.999791
XLOC_022618	XLOC_022618	NUP214	chr9:134000980-134109091	0.0258133	0.999791
XLOC_021291	XLOC_021291	WASL	chr7:123321996-123389116	0.0258358	0.999791
XLOC_010198	XLOC_010198	SKA1	chr18:47901391-47920538	0.0258876	0.999791
XLOC_006488	XLOC_006488	CALM1	chr14:90863326-90874619	0.0258916	0.999791
XLOC_009649	XLOC_009649	C17orf96	chr17:36827958-36831187	0.0259518	0.999791
XLOC_020983	XLOC_020983	HOXA11	chr7:27220775-27224835	0.0259846	0.999791
XLOC_020472	XLOC_020472	PPIA	chr7:44836240-44842716	0.0259848	0.999791
XLOC_015997	XLOC_015997	CP	chr3:148847370-148939832	0.0260087	0.999791
XLOC_021730	XLOC_021730	MTBP	chr8:121408082-121535875	0.0260154	0.999791
XLOC_001493	XLOC_001493	ZMYND12	chr1:42896000-42921938	0.0260244	1
XLOC_002992	XLOC_002992	DNAJC9	chr10:75002581-75007025	0.0260369	0.999791
XLOC_015896	XLOC_015896	RABL3	chr3:120405527-120461384	0.0260444	0.999791
XLOC_007911	XLOC_007911	ZNF75A	chr16:3348807-3368576	0.0261118	0.999791
XLOC_004799	XLOC_004799	DNM1L	chr12:32832136-32898584	0.0261542	0.999791
XLOC_000785	XLOC_000785	LRRC71	chr1:156890423-156902880	0.0262035	0.999791
XLOC_010451	XLOC_010451	EFNA2	chr19:1286152-13014129	0.0262569	0.999791
XLOC_010322	XLOC_010322	B4GALT6	chr18:29202208-29264686	0.0263128	0.999791
XLOC_004651	XLOC_004651	FKBP4	chr12:2904107-2914587	0.0263174	0.999791
XLOC_022391	XLOC_022391	C9orf85	chr9:74526422-74588371	0.0263228	0.999791
XLOC_021522	XLOC_021522	PPP2R2A	chr8:26149006-26230195	0.0263377	0.999791
XLOC_014693	XLOC_014693	KLHL22	chr22:20795805-20850170	0.0263509	0.999791
XLOC_006040	XLOC_006040	MTMR6	chr13:25820340-25861704	0.0263554	0.999791
XLOC_016799	XLOC_016799	NAAA	chr4:76831807-76862166	0.0264228	0.999791
XLOC_000383	XLOC_000383	CMPK1	chr1:47799468-47844511	0.0264411	0.999791
XLOC_016049	XLOC_016049	PDCD10	chr3:167401694-167452651	0.0264577	0.999791
XLOC_018117	XLOC_018117	ABT1	chr6:26597170-26600277	0.0264942	0.999791
XLOC_009188	XLOC_009188	AKAP1	chr17:55162552-55198710	0.0265751	0.999791
XLOC_008200	XLOC_008200	SNTB2	chr16:69221049-69342955	0.0265777	0.999791
XLOC_007633	XLOC_007633	UBAP1L	chr15:65385341-65398697	0.0266119	0.999791
XLOC_018250	XLOC_018250	SNRPC	chr6:34724870-34741634	0.0266346	0.999791
XLOC_022347	XLOC_022347	CLTA	chr9:36190852-36212059	0.0266647	0.999791
XLOC_014506	XLOC_014506	SLC35E4	chr22:31031792-31043862	0.0266762	0.999791
XLOC_017231	XLOC_017231	POLR3G	chr5:89770680-89810369	0.0267017	0.999791
XLOC_007719	XLOC_007719	CHRNA3	chr15:78857861-78913637	0.0267228	1
XLOC_008947	XLOC_008947	ERAL1	chr17:27182042-27188072	0.0267339	0.999791
XLOC_022402	XLOC_022402	VPS13A	chr9:79791671-80032399	0.0267364	0.999791
XLOC_023879	XLOC_023879	SMC1A	chrX:53401069-53449618	0.0267393	0.999791
XLOC_006683	XLOC_006683	TEP1	chr14:20833825-20881579	0.0268254	0.999791
XLOC_007252	XLOC_007252	ANKDD1A	chr15:65204100-65251041	0.0269351	0.999791
XLOC_014803	XLOC_014803	TST	chr22:37406899-37425863	0.0269537	0.999791
XLOC_003851	XLOC_003851	PHLDB1	chr11:118477212-118528748	0.0269564	0.999791
XLOC_003783	XLOC_003783	TMEM133	chr11:100862810-100864666	0.0269658	0.999791
XLOC_016268	XLOC_016268	RBPJ	chr4:26321331-26436752	0.0269784	0.999791
XLOC_002555	XLOC_002555	CCSER2	chr10:86088409-86278276	0.0269948	0.999791
XLOC_013048	XLOC_013048	SNRNP200	chr2:96940073-96971307	0.0270166	0.999791
XLOC_002592	XLOC_002592	BTAF1	chr10:93683735-93790080	0.0270216	0.999791
XLOC_021353	XLOC_021353	MRPS33	chr7:140705960-140714781	0.0270688	0.999791
XLOC_001416	XLOC_001416	BAI2	chr1:32192717-32229648	0.0271053	0.999791
XLOC_005675	XLOC_005675	PRDM4	chr12:108126642-108154914	0.0271332	0.999791
XLOC_014121	XLOC_014121	USP16	chr21:30396937-30426807	0.0271411	0.999791
XLOC_009515	XLOC_009515	CDRT4, TVP23C, TVP23C-CDRT4	chr17:15339331-15466945	0.0271658	0.999791
XLOC_012421	XLOC_012421	SFT2D3	chr2:128458596-128461407	0.0272042	0.999791
XLOC_015780	XLOC_015780	FAM208A	chr3:56591183-56717135	0.0272383	0.999791
XLOC_017506	XLOC_017506	TSPAN17	chr5:176074387-176086059	0.0272397	0.999791
XLOC_009304	XLOC_009304	METTL23	chr17:74722911-74729962	0.0272623	0.999791
XLOC_009289	XLOC_009289	SAP30BP	chr17:73663398-73704139	0.0272783	0.999791
XLOC_009530	XLOC_009530	PEMT	chr17:17408876-17495017	0.0273131	0.999791
XLOC_017311	XLOC_017311	SLC22A5	chr5:131630144-131731306	0.0273172	0.999791
XLOC_010475	XLOC_010475	ZNF57	chr19:2900895-2918474	0.0273452	0.999791
XLOC_001353	XLOC_001353	GALE	chr1:24122088-24127294	0.0273567	0.999791
XLOC_002172	XLOC_002172	NEK2	chr1:211831598-211848972	0.0273829	0.999791
XLOC_023355	XLOC_023355	TIMP1	chrX:47420498-47479256	0.0273836	0.999791
XLOC_008065	XLOC_008065	SETD1A	chr16:30968614-30995981	0.0273987	0.999791
XLOC_009939	XLOC_009939	ABCA10, ABCA5	chr17:67144147-67323323	0.0274101	0.999791
XLOC_021662	XLOC_021662	CPNE3	chr8:87526655-87573726	0.0274707	0.999791
XLOC_009575	XLOC_009575	KIAA0100	chr17:26926150-26972177	0.0275471	0.999791
XLOC_006410	XLOC_006410	PLEKHH1	chr14:68000007-68067017	0.0275595	0.999791
XLOC_002362	XLOC_002362	STAM	chr10:17686123-17758821	0.0275715	0.999791
XLOC_002756	XLOC_002756	DOCK1	chr10:128594022-129250780	0.0275733	0.999791
XLOC_024194	XLOC_024194	SLC10A3	chrX:153715649-153719002	0.0276084	0.999791
XLOC_019157	XLOC_019157	DYNLT1	chr6:159057506-159065804	0.0276449	0.999791
XLOC_011417	XLOC_011417	ICAM3	chr19:10444451-10450345	0.0276658	0.999791
XLOC_002821	XLOC_002821	BEND7	chr10:13480483-13544976	0.0276831	0.999791

XLOC_000882	XLOC_000882	METTL13	chr1:171750760-171766856	0.0277002	0.999791
XLOC_010127	XLOC_010127	SLMO1	chr18:12407894-12432236	0.0277072	0.999791
XLOC_012362	XLOC_012362	GCC2	chr2:109065576-109125854	0.0277671	0.999791
XLOC_022707	XLOC_022707	CBWD1	chr9:121037-179075	0.0277684	0.999791
XLOC_007642	XLOC_007642	DENND4A	chr15:65952956-66084631	0.0278112	0.999791
XLOC_011566	XLOC_011566	ZNF100	chr19:21906842-21950430	0.0278249	0.999791
XLOC_016064	XLOC_016064	PLD1	chr3:171318194-171528284	0.0279595	1
XLOC_022577	XLOC_022577	FPGS	chr9:130565153-130576556	0.0279663	0.999791
XLOC_003863	XLOC_003863	NLRX1	chr11:119039439-119054725	0.027981	0.999791
XLOC_009590	XLOC_009590	ABHD15	chr17:27887688-27894042	0.0279832	0.999791
XLOC_006630	XLOC_006630	PPP2R5C	chr14:102228134-102394328	0.0279914	0.999791
XLOC_005356	XLOC_005356	KRAS	chr12:25358179-25403854	0.028046	0.999791
XLOC_014005	XLOC_014005	NCOA5	chr20:44689625-44718580	0.0280863	0.999791
XLOC_017715	XLOC_017715	SERINC5	chr5:79407049-79551898	0.0280979	0.999791
XLOC_003443	XLOC_003443	SLC39A13	chr11:47430045-47438051	0.0281008	0.999791
XLOC_018575	XLOC_018575	TULP4	chr6:158733691-158932856	0.0281475	0.999791
XLOC_016096	XLOC_016096	IGF2BP2	chr3:185361526-185542827	0.0281545	0.999791
XLOC_005154	XLOC_005154	BCL7A	chr12:122459860-122499950	0.0281753	0.999791
XLOC_013046	XLOC_013046	STARD7	chr2:96850602-96908362	0.0282151	0.999791
XLOC_012127	XLOC_012127	SLC30A6	chr2:32390909-32449181	0.0282246	0.999791
XLOC_009622	XLOC_009622	PEX12	chr17:33901813-33905656	0.0282593	0.999791
XLOC_015786	XLOC_015786	ARF4	chr3:57557089-57583215	0.0282976	0.999791
XLOC_003593	XLOC_003593	CCDC88B	chr11:64107689-64125006	0.02833	0.999791
XLOC_016084	XLOC_016084	MAP6D1	chr3:183533663-183543393	0.0283572	0.999791
XLOC_007997	XLOC_007997	UBFD1	chr16:23568861-23585710	0.0283826	0.999791
XLOC_012564	XLOC_012564	NAB1	chr2:191513847-191557492	0.0284099	0.999791
XLOC_008622	XLOC_008622	KCTD19	chr16:67311412-67360661	0.0284286	1
XLOC_014821	XLOC_014821	CSNK1E	chr22:38686696-38714089	0.028451	0.999791
XLOC_013097	XLOC_013097	NPHP1	chr2:110880913-110962639	0.028502	0.999791
XLOC_023666	XLOC_023666	LOC100272228	chrX:149106765-149185018	0.0285072	1
XLOC_020642	XLOC_020642	MBLAC1	chr7:99724319-99726121	0.028559	0.999791
XLOC_006125	XLOC_006125	KPNA3	chr13:50273442-50367057	0.0286222	0.999791
XLOC_005678	XLOC_005678	SART3	chr12:108915990-108955165	0.0286239	0.999791
XLOC_023724	XLOC_023724	VBP1	chrX:154444700-154468098	0.0286306	0.999791
XLOC_010279	XLOC_010279	ZBTB14	chr18:5289017-5297052	0.0286453	0.999791
XLOC_018892	XLOC_018892	MRPS18A	chr6:43638933-43655549	0.0286477	0.999791
XLOC_016410	XLOC_016410	AGPAT9	chr4:84457066-84527027	0.0286911	0.999791
XLOC_012953	XLOC_012953	FBXO48	chr2:68689504-68694390	0.0286955	1
XLOC_007694	XLOC_007694	RPP25	chr15:75247442-75249775	0.0287503	0.999791
XLOC_006485	XLOC_006485	TDP1	chr14:90422245-90511108	0.0287505	0.999791
XLOC_001067	XLOC_001067	DISP1	chr1:222988430-223179337	0.0287867	1
XLOC_012375	XLOC_012375	MERTK	chr2:112656190-112786945	0.0288108	0.999791
XLOC_006427	XLOC_006427	SIPA1L1	chr14:71996041-72206120	0.0288219	0.999791
XLOC_021468	XLOC_021468	NEIL2	chr8:11627171-11644854	0.028913	0.999791
XLOC_005526	XLOC_005526	MIP	chr12:56843285-56848435	0.028938	1
XLOC_010097	XLOC_010097	MYL12A	chr18:3247527-3256234	0.0289984	0.999791
XLOC_013487	XLOC_013487	STK35	chr20:2082527-2129198	0.0290248	0.999791
XLOC_024016	XLOC_024016	ACSL4	chrX:108884563-108976621	0.0291633	0.999791
XLOC_020699	XLOC_020699	ZNF277	chr7:111846642-111983989	0.0291897	0.999791
XLOC_001758	XLOC_001758	FAM72D	chr1:143896451-143913143	0.0291908	0.999791
XLOC_014258	XLOC_014258	N6AMT1	chr21:30244512-30257695	0.02924	0.999791
XLOC_012059	XLOC_012059	FAM84A	chr2:14772809-14780168	0.0292433	1
XLOC_006055	XLOC_006055	UBL3	chr13:30338544-30424820	0.0292706	0.999791
XLOC_014893	XLOC_014893	CERK	chr22:47080306-47134152	0.0293118	0.999791
XLOC_017153	XLOC_017153	CWC27	chr5:64064754-64314590	0.029355	0.999791
XLOC_018879	XLOC_018879	C6orf226	chr6:42858002-42858554	0.0293619	0.999791
XLOC_000821	XLOC_000821	UFC1	chr1:161123533-161128646	0.0293837	0.999791
XLOC_004917	XLOC_004917	SUOX	chr12:56391042-56399309	0.0294774	0.999791
XLOC_013794	XLOC_013794	PRPF6	chr20:62612430-62664453	0.029549	0.999791
XLOC_002235	XLOC_002235	TAF5L	chr1:229728865-229761794	0.0295793	0.999791
XLOC_012979	XLOC_012979	FBXO41	chr2:73481809-73496758	0.0295797	0.999791
XLOC_000340	XLOC_000340	IPO13	chr1:44412477-44433694	0.0295845	0.999791
XLOC_000576	XLOC_000576	STRIP1	chr1:110574198-110597263	0.0296621	0.999791
XLOC_011754	XLOC_011754	ERCC1	chr19:45882891-45927177	0.0297246	0.999791
XLOC_009450	XLOC_009450	ASGR1	chr17:7076750-7082883	0.0297454	0.999791
XLOC_014639	XLOC_014639	PIM3	chr22:50354142-50357720	0.0297691	0.999791
XLOC_009852	XLOC_009852	MBTD1	chr17:49254785-49337427	0.0297731	0.999791
XLOC_017057	XLOC_017057	TRIP13	chr5:892968-918164	0.0298064	0.999791
XLOC_021674	XLOC_021674	RBM12B-AS1	chr8:94743730-94753224	0.0298282	0.999791
XLOC_009027	XLOC_009027	RPL19	chr17:37356535-37360980	0.0298838	0.999791
XLOC_011277	XLOC_011277	PCSK4	chr19:1481426-1490407	0.0300062	0.999791
XLOC_018755	XLOC_018755	HLA-B	chr6:31321648-31324989	0.0300258	0.999791
XLOC_012212	XLOC_012212	ACTR2	chr2:65454828-65498390	0.0300284	0.999791
XLOC_023091	XLOC_023091	DPM2	chr9:130697373-130700763	0.0300531	0.999791
XLOC_013741	XLOC_013741	VAPB	chr20:56964174-57026156	0.0300603	0.999791
XLOC_002681	XLOC_002681	SFR1	chr10:105881815-105886143	0.0300644	0.999791
XLOC_013082	XLOC_013082	TGFBRAP1	chr2:105883539-105946148	0.0300996	0.999791
XLOC_002791	XLOC_002791	PITRM1	chr10:3179918-3215033	0.0300997	0.999791
XLOC_002849	XLOC_002849	PIP4K2A	chr10:22823765-23003503	0.030139	0.999791

XLOC_002998	XLOC_002998	USP54	chr10:75257295-75335433	0.0301436	0.999791
XLOC_023080	XLOC_023080	FAM129B	chr9:130267617-130341268	0.0301755	0.999791
XLOC_013835	XLOC_013835	C20orf27	chr20:3734145-3749035	0.0302129	0.999791
XLOC_004684	XLOC_004684	USP5	chr12:6961284-6975795	0.0302432	0.999791
XLOC_018464	XLOC_018464	KPNA5	chr6:117002366-117063030	0.0303029	0.999791
XLOC_007513	XLOC_007513	C15orf57	chr15:40845297-40857252	0.0303665	0.999791
XLOC_008235	XLOC_008235	TERF2IP	chr16:75681634-75691341	0.0303721	0.999791
XLOC_000293	XLOC_000293	C1orf122	chr1:38268613-38275126	0.0303828	0.999791
XLOC_010705	XLOC_010705	KLHL26	chr19:18747837-18781302	0.0304024	0.999791
XLOC_009347	XLOC_009347	ASPSCR1	chr17:79935425-79975282	0.0304042	0.999791
XLOC_001799	XLOC_001799	APH1A	chr1:150237798-150241609	0.0304221	0.999791
XLOC_005862	XLOC_005862	COG6	chr13:40229763-40365802	0.0304264	0.999791
XLOC_001117	XLOC_001117	GGPS1	chr1:235491752-235507844	0.0304462	0.999791
XLOC_016952	XLOC_016952	OTUD4	chr4:146054801-146100832	0.0304992	0.999791
XLOC_009249	XLOC_009249	AMZ2	chr17:66244144-66253305	0.0305043	0.999791
XLOC_023188	XLOC_023188	DPP7	chr9:140004991-140009195	0.0305444	0.999791
XLOC_009243	XLOC_009243	NOL11	chr17:65714060-65740266	0.0305489	0.999791
XLOC_022451	XLOC_022451	HIATL1	chr9:97136832-97223202	0.0305581	0.999791
XLOC_010039	XLOC_010039	ARL16	chr17:79648223-79650954	0.0305795	0.999791
XLOC_003332	XLOC_003332	CTR9	chr11:10772810-10801290	0.0306014	0.999791
XLOC_006763	XLOC_006763	EAPP	chr14:34985134-35008943	0.0306025	0.999791
XLOC_010047	XLOC_010047	MAFG	chr17:79876144-79885587	0.0306107	0.999791
XLOC_010372	XLOC_010372	MBD2	chr18:51677970-51751158	0.0306166	0.999791
XLOC_023489	XLOC_023489	ATP7A	chrX:77166193-77305892	0.0306511	0.999791
XLOC_009902	XLOC_009902	FTSJ3	chr17:61896792-61909387	0.0307217	0.999791
XLOC_005175	XLOC_005175	DNAH10	chr12:124247041-124420267	0.0307755	1
XLOC_011958	XLOC_011958	TNNI3	chr19:55663135-55669100	0.0308453	0.999791
XLOC_020885	XLOC_020885	UBE3C	chr7:156931654-157062066	0.0309041	0.999791
XLOC_013425	XLOC_013425	KCNJ13	chr2:233562014-233725289	0.0309055	1
XLOC_023760	XLOC_023760	TRAPPC2	chrX:13730360-13752754	0.0309066	0.999791
XLOC_022386	XLOC_022386	TJP2	chr9:71736179-71870124	0.0309432	0.999791
XLOC_012382	XLOC_012382	SLC20A1	chr2:113403433-113421400	0.0310218	0.999791
XLOC_011482	XLOC_011482	LPHN1	chr19:14247963-14316997	0.0310417	0.999791
XLOC_012043	XLOC_012043	IAH1	chr2:9614669-9628591	0.0310623	0.999791
XLOC_002822	XLOC_002822	FRMD4A	chr10:13685705-14372866	0.0310631	0.999791
XLOC_018401	XLOC_018401	SMIM8	chr6:87992696-88052043	0.0310852	0.999791
XLOC_001188	XLOC_001188	C1orf170	chr1:910578-917473	0.0311387	0.999791
XLOC_000371	XLOC_000371	NSUN4	chr1:46805848-46830824	0.0311778	0.999791
XLOC_011972	XLOC_011972	ISOC2	chr19:55964345-55973049	0.0311843	0.999791
XLOC_022296	XLOC_022296	FOCAD	chr9:20658308-20995954	0.0312497	0.999791
XLOC_013406	XLOC_013406	TRIP12	chr2:230631929-230786655	0.0312598	0.999791
XLOC_019091	XLOC_019091	SLC18B1	chr6:133090506-133119747	0.0312703	0.999791
XLOC_012172	XLOC_012172	TTC7A	chr2:47129008-47303275	0.0313161	0.999791
XLOC_004297	XLOC_004297	MACROD1	chr11:63766029-63933585	0.0313296	0.999791
XLOC_014426	XLOC_014426	SNAP29	chr22:21213291-21245501	0.0313446	0.999791
XLOC_001505	XLOC_001505	ERI3	chr1:44686741-44820939	0.0313681	0.999791
XLOC_011590	XLOC_011590	PEPD	chr19:33877854-34012799	0.0314555	0.999791
XLOC_010390	XLOC_010390	RNF152	chr18:59482303-59560304	0.0314646	0.999791
XLOC_001106	XLOC_001106	DISC1,TSNAX	chr1:231664398-232177019	0.0314937	0.999791
XLOC_021114	XLOC_021114	STAG3L2	chr7:74298262-74306731	0.0315373	0.999791
XLOC_001058	XLOC_001058	IARS2	chr1:220046618-220321383	0.0315425	0.999791
XLOC_003259	XLOC_003259	SLC22A18	chr11:2909326-2946476	0.0315739	0.999791
XLOC_023332	XLOC_023332	ATP6AP2	chrX:40440215-40465888	0.0315987	0.999791
XLOC_023341	XLOC_023341	KDM6A	chrX:44732422-44971845	0.0316466	0.999791
XLOC_004753	XLOC_004753	DERA	chr12:16064185-16190315	0.0316714	0.999791
XLOC_012031	XLOC_012031	RPS7	chr2:3622852-3628509	0.0317099	0.999791
XLOC_001992	XLOC_001992	TMCO1	chr1:165693527-165738159	0.0317204	0.999791
XLOC_012233	XLOC_012233	NAGK	chr2:71295407-71305998	0.0317437	0.999791
XLOC_020470	XLOC_020470	OGDH	chr7:44646120-44748669	0.0318395	0.999791
XLOC_005831	XLOC_005831	PDX1	chr13:28494167-28500451	0.0319839	0.999791
XLOC_005519	XLOC_005519	RNF41	chr12:56596287-56615753	0.0320207	0.999791
XLOC_020681	XLOC_020681	ARMC10	chr7:102715327-102789569	0.0320228	0.999791
XLOC_000485	XLOC_000485	LOC646626	chr1:85731459-85743771	0.0320265	0.999791
XLOC_007225	XLOC_007225	TCF12	chr15:57210832-57580714	0.0320663	0.999791
XLOC_003568	XLOC_003568	TMEM179B	chr1:62554873-62559486	0.0320811	0.999791
XLOC_010996	XLOC_010996	CYTH2	chr19:48972464-48985571	0.0320842	0.999791
XLOC_011201	XLOC_011201	ZNF444	chr19:56652534-56672262	0.0320942	0.999791
XLOC_013438	XLOC_013438	ILKAP	chr2:239079042-239112324	0.0320942	0.999791
XLOC_012769	XLOC_012769	TSSC1	chr2:3192740-3381653	0.0320943	0.999791
XLOC_022568	XLOC_022568	GARNL3	chr9:130026755-130155828	0.0321403	0.999791
XLOC_010439	XLOC_010439	ARID3A	chr19:926036-972803	0.0321902	0.999791
XLOC_015567	XLOC_015567	CIDECP	chr3:10059236-10067820	0.0322194	0.999791
XLOC_011938	XLOC_011938	TFPT	chr19:54610319-54635150	0.0322372	0.999791
XLOC_002179	XLOC_002179	FLVCR1-AS1	chr1:213029945-213031480	0.0322971	0.999791
XLOC_010518	XLOC_010518	CAPS	chr19:5914192-5978320	0.0323277	0.999791
XLOC_003666	XLOC_003666	NDUFV1	chr11:67374322-67380012	0.0323378	0.999791
XLOC_006365	XLOC_006365	FBXO34	chr14:55738020-55820329	0.0323393	0.999791
XLOC_015266	XLOC_015266	ZDHC23	chr3:113666747-113681827	0.032412	0.999791
XLOC_003832	XLOC_003832	REXO2	chr11:114310107-114321000	0.0324247	0.999791

XLOC_003506	XLOC_003506	FAM111A	chr11:58910317-58922511	0.032431	0.999791
XLOC_015806	XLOC_015806	SUCLG2	chr3:67410883-67705038	0.0324429	0.999791
XLOC_004247	XLOC_004247	DDB1	chr11:61066918-61136975	0.0325015	0.999791
XLOC_006929	XLOC_006929	NRDE2	chr14:90744397-90798481	0.0325146	0.999791
XLOC_022736	XLOC_022736	HAUS6	chr9:19053134-19102940	0.0325488	0.999791
XLOC_007163	XLOC_007163	MGA	chr15:41952609-42062141	0.0325751	0.999791
XLOC_013877	XLOC_013877	CRNKL1	chr20:20015011-20341346	0.0325921	0.999791
XLOC_009557	XLOC_009557	USP22	chr17:20902905-20946352	0.0327449	0.999791
XLOC_008481	XLOC_008481	NSMCE1	chr16:27236314-27301789	0.0327533	0.999791
XLOC_008308	XLOC_008308	AFG3L1P	chr16:90036182-90067195	0.032755	0.999791
XLOC_004614	XLOC_004614	PUS3	chr11:125753508-125773116	0.0327635	0.999791
XLOC_013501	XLOC_013501	MRPS26	chr20:3026674-3028896	0.0327699	0.999791
XLOC_014059	XLOC_014059	TAF4	chr20:60549853-60640866	0.0327959	0.999791
XLOC_012236	XLOC_012236	DYSF	chr2:71680752-71913893	0.0328099	1
XLOC_002767	XLOC_002767	PWWP2B	chr10:134210701-134231358	0.0328381	0.999791
XLOC_005875	XLOC_005875	LACC1	chr13:44410488-44468068	0.0328426	0.999791
XLOC_003162	XLOC_003162	PRDX3	chr10:120927214-120938345	0.0328453	0.999791
XLOC_008525	XLOC_008525	LOC730183	chr16:30709024-30709810	0.0328588	0.999791
XLOC_004867	XLOC_004867	MFSD5	chr12:53645369-53648190	0.0328765	0.999791
XLOC_013544	XLOC_013544	POLR3F	chr20:18448032-18465286	0.0328864	0.999791
XLOC_005297	XLOC_005297	CSDA	chr12:10851675-10875953	0.0329079	0.999791
XLOC_010847	XLOC_010847	SAMD4B	chr19:39833107-39875537	0.0329286	0.999791
XLOC_023071	XLOC_023071	GOLGA1	chr9:127640572-127703386	0.0329441	0.999791
XLOC_004355	XLOC_004355	CORO1B	chr11:67205517-67211292	0.0329823	0.999791
XLOC_007492	XLOC_007492	GOLGA8B	chr15:34817483-34875771	0.0329873	0.999791
XLOC_015556	XLOC_015556	RAD18	chr3:8918879-9005159	0.0329931	0.999791
XLOC_006462	XLOC_006462	VASH1	chr14:77228234-77249363	0.0330113	0.999791
XLOC_010258	XLOC_010258	NFATC1	chr18:77155771-77289323	0.0330799	0.999791
XLOC_006734	XLOC_006734	CHMP4A	chr14:24678786-24683036	0.0331641	0.999791
XLOC_001442	XLOC_001442	PSMB2	chr1:36065142-36107445	0.0331672	0.999791
XLOC_014571	XLOC_014571	SMCR7L	chr22:39898283-39914137	0.0331904	0.999791
XLOC_006026	XLOC_006026	SKA3	chr13:21727733-21753220	0.0332291	0.999791
XLOC_023279	XLOC_023279	SYAP1	chrX:16737706-16780807	0.0332391	0.999791
XLOC_006140	XLOC_006140	NEK3	chr13:52706778-52733996	0.0332798	0.999791
XLOC_013615	XLOC_013615	ITCH	chr20:32951040-33099198	0.0332805	0.999791
XLOC_004085	XLOC_004085	COPB1	chr11:14479048-14521441	0.0332834	0.999791
XLOC_004400	XLOC_004400	COA4	chr11:73583712-73638781	0.0332923	0.999791
XLOC_020683	XLOC_020683	PSMC2	chr7:102987970-103086624	0.0333075	0.999791
XLOC_023590	XLOC_023590	UBE2A	chrX:118708498-118718379	0.0333188	0.999791
XLOC_009331	XLOC_009331	CHMP6	chr17:78965640-78973933	0.0333222	0.999791
XLOC_006668	XLOC_006668	C14orf80	chr14:105956191-105965585	0.0333522	0.999791
XLOC_000320	XLOC_000320	PPCS	chr1:42922172-42926086	0.0334033	0.999791
XLOC_002593	XLOC_002593	MARCH5	chr10:94050919-94113721	0.0334176	0.999791
XLOC_007286	XLOC_007286	ARIH1	chr15:72766666-72878896	0.0334423	0.999791
XLOC_010448	XLOC_010448	MIDN	chr19:1248551-1259142	0.0334431	0.999791
XLOC_015602	XLOC_015602	SATB1	chr3:18389132-18480265	0.033447	0.999791
XLOC_018543	XLOC_018543	STXBP5	chr6:147162524-147711612	0.0334464	0.999791
XLOC_008533	XLOC_008533	PRSS53	chr16:31085742-31100130	0.0334918	0.999791
XLOC_008824	XLOC_008824	SNORA48	chr17:7465308-7482324	0.0335068	0.999791
XLOC_003868	XLOC_003868	OAF	chr11:120081746-120100650	0.0335116	0.999791
XLOC_005783	XLOC_005783	SLC15A4	chr12:129277738-129308541	0.0335755	0.999791
XLOC_002995	XLOC_002995	ANXA7	chr10:75135188-75173841	0.0335756	0.999791
XLOC_012776	XLOC_012776	RNF144A-AS1	chr2:7052406-7184309	0.0336115	1
XLOC_003805	XLOC_003805	FDX1	chr11:110300660-110335608	0.0336235	0.999791
XLOC_014040	XLOC_014040	AURKA	chr20:54944444-54967351	0.0336498	0.999791
XLOC_022527	XLOC_022527	TRIM32	chr9:119187503-120177317	0.0337132	0.999791
XLOC_012186	XLOC_012186	EML6	chr2:54952148-55199156	0.0337429	0.999791
XLOC_015448	XLOC_015448	ECT2	chr3:172468474-172539264	0.0337618	0.999791
XLOC_014531	XLOC_014531	MCM5	chr22:35796115-35820495	0.0337698	0.999791
XLOC_015089	XLOC_015089	DHX30	chr3:47844398-47891686	0.0337838	0.999791
XLOC_012808	XLOC_012808	SDC1	chr2:20400557-20425194	0.0337902	0.999791
XLOC_005497	XLOC_005497	SMUG1	chr12:54574141-54582778	0.0338429	0.999791
XLOC_020399	XLOC_020399	FAM221A	chr7:23719748-23742269	0.0338824	0.999791
XLOC_006531	XLOC_006531	YY1	chr14:100705101-100744804	0.0339227	0.999791
XLOC_008587	XLOC_008587	FAM192A	chr16:57186377-57219976	0.0339425	0.999791
XLOC_000684	XLOC_000684	PRUNE	chr1:150980972-151008189	0.0339715	0.999791
XLOC_022319	XLOC_022319	UBE2R2	chr9:33817181-33920401	0.033978	0.999791
XLOC_007340	XLOC_007340	KIAA1024	chr15:79724857-79764642	0.0339976	1
XLOC_013183	XLOC_013183	CACNB4	chr2:152689285-152955593	0.0340341	0.999791
XLOC_009676	XLOC_009676	SMARCE1	chr17:38783975-38804103	0.0340998	0.999791
XLOC_017686	XLOC_017686	SMA4	chr5:69423288-69586004	0.0341102	0.999791
XLOC_005667	XLOC_005667	ALDH1L2	chr12:105413561-105478341	0.0341191	1
XLOC_022256	XLOC_022256	ZNF252P	chr8:146198974-146231432	0.0341211	0.999791
XLOC_012843	XLOC_012843	ZNF513	chr2:27593362-27603611	0.0341465	0.999791
XLOC_016434	XLOC_016434	SMARCAD1	chr4:95128758-95212443	0.0341836	0.999791
XLOC_008484	XLOC_008484	GSGL1L	chr16:27798849-28074830	0.0341866	1
XLOC_006813	XLOC_006813	GNPNAT1	chr14:53241910-53258386	0.034297	0.999791
XLOC_009374	XLOC_009374	INPP5K	chr17:1397870-1420182	0.0342981	0.999791
XLOC_011848	XLOC_011848	AKT1S1	chr19:50372296-50380644	0.0344893	0.999791

XLOC_022784	XLOC_022784	SMU1	chr9:33041849-33076714	0.0346192	0.999791
XLOC_014404	XLOC_014404	DGCR5	chr22:18958010-18982142	0.0346201	1
XLOC_012562	XLOC_012562	INPP1	chr2:191208195-191236391	0.0346247	0.999791
XLOC_007548	XLOC_007548	CATSPER2P1	chr15:44028145-44038496	0.034716	1
XLOC_016871	XLOC_016871	UBE2D3	chr4:103717132-103790032	0.0347335	0.999791
XLOC_006089	XLOC_006089	MRPS31	chr13:41303431-41345347	0.0347458	0.999791
XLOC_001001	XLOC_001001	MFSD4	chr1:205538111-205572046	0.0347787	1
XLOC_000255	XLOC_000255	EIF3I	chr1:32687970-32697205	0.0347951	0.999791
XLOC_018565	XLOC_018565	SCAF8	chr6:155054511-155155194	0.0348771	0.999791
XLOC_007518	XLOC_007518	RHOV	chr15:41164411-41166487	0.0348907	0.999791
XLOC_003933	XLOC_003933	BET1L	chr11:202923-207422	0.035	0.999791
XLOC_003712	XLOC_003712	RNF169	chr1:74459912-74660232	0.0350153	0.999791
XLOC_005771	XLOC_005771	SBNO1	chr12:123773655-123834988	0.0350676	0.999791
XLOC_017542	XLOC_017542	CCDC127	chr5:204874-218297	0.0350865	0.999791
XLOC_015234	XLOC_015234	CEP97	chr3:101443493-101486181	0.0350948	0.999791
XLOC_000812	XLOC_000812	PEA15	chr1:160175124-160185162	0.0351086	0.999791
XLOC_009532	XLOC_009532	SREBF1	chr17:17584786-17740325	0.035115	0.999791
XLOC_004607	XLOC_004607	MSANTD2	chr11:124636393-124670299	0.0351636	0.999791
XLOC_014853	XLOC_014853	NHP2L1	chr22:42069936-42084913	0.0351662	0.999791
XLOC_005176	XLOC_005176	FAM101A,ZNF664,ZNF664-FAM1	chr12:124457761-124800570	0.0351747	0.999791
XLOC_002214	XLOC_002214	SDE2	chr1:226170402-226187066	0.0351855	0.999791
XLOC_004257	XLOC_004257	FBXO2	chr1:61717355-61735132	0.0351937	0.999791
XLOC_023616	XLOC_023616	MST4	chrX:131157244-131209971	0.0352588	0.999791
XLOC_002383	XLOC_002383	KIAA1217	chr10:23983674-24836772	0.0352727	0.999791
XLOC_002525	XLOC_002525	KAT6B	chr10:76586170-76792380	0.0352739	0.999791
XLOC_006460	XLOC_006460	GPATCH2L	chr14:76618258-76669134	0.035317	0.999791
XLOC_003072	XLOC_003072	FRAT2	chr10:99092253-99094458	0.0353334	0.999791
XLOC_016880	XLOC_016880	TBCK	chr4:106967232-107270381	0.0354052	0.999791
XLOC_018980	XLOC_018980	SNX14	chr6:86215214-86303629	0.0354056	0.999791
XLOC_005655	XLOC_005655	NUP37	chr12:102467972-102512361	0.0354735	0.999791
XLOC_012572	XLOC_012572	HSPE1,HSPE1-MOB4,MOB4	chr2:198351307-198418423	0.0354845	0.999791
XLOC_015231	XLOC_015231	PCNP	chr3:101293041-101313281	0.0354894	0.999791
XLOC_011652	XLOC_011652	RINL	chr19:39358471-39368919	0.0355119	0.999791
XLOC_003230	XLOC_003230	TALDO1	chr1:747431-765024	0.0355127	0.999791
XLOC_012005	XLOC_012005	ZNF329	chr19:58637694-58662148	0.0355205	0.999791
XLOC_021666	XLOC_021666	DECR1	chr8:91013579-91064227	0.0355582	0.999791
XLOC_007488	XLOC_007488	NOP10	chr15:34633916-34635362	0.0356157	0.999791
XLOC_002612	XLOC_002612	ENTPD1	chr10:97471535-97849992	0.0356352	0.999791
XLOC_014150	XLOC_014150	ITSN1	chr21:35014783-35261609	0.0356838	0.999791
XLOC_003875	XLOC_003875	SC5DL	chr11:121163387-121184119	0.035698	0.999791
XLOC_015136	XLOC_015136	GLYCTK	chr3:52321835-52329272	0.0357077	0.999791
XLOC_022463	XLOC_022463	LOC441454	chr9:99671356-99672737	0.035721	1
XLOC_022251	XLOC_022251	ZNF34	chr8:145998500-146012725	0.0357472	0.999791
XLOC_012759	XLOC_012759	NEU4	chr2:242750159-242758739	0.0357746	1
XLOC_007816	XLOC_007816	ITFG3	chr16:284800-316119	0.0358051	0.999791
XLOC_014903	XLOC_014903	MAPK12	chr22:50691330-50700089	0.0358689	0.999791
XLOC_015106	XLOC_015106	BSN	chr3:49591921-49708982	0.0359664	1
XLOC_013654	XLOC_013654	ACTR5	chr20:37377096-37401089	0.0359742	0.999791
XLOC_001313	XLOC_001313	ALDH4A1	chr1:19197923-19229293	0.0359807	0.999791
XLOC_005725	XLOC_005725	FBXO21	chr12:117581584-117628300	0.0360367	0.999791
XLOC_003112	XLOC_003112	PSD	chr10:104162373-104182893	0.0360891	0.999791
XLOC_008411	XLOC_008411	USP7	chr16:8985950-9057341	0.0361074	0.999791
XLOC_004808	XLOC_004808	TMEM117	chr12:44229961-44783541	0.0361364	0.999791
XLOC_009877	XLOC_009877	TRIM37	chr17:56833229-57184266	0.0361571	0.999791
XLOC_008630	XLOC_008630	RANBP10	chr16:67757004-67840555	0.0362017	0.999791
XLOC_012958	XLOC_012958	AAK1	chr2:69685126-69870977	0.0362199	0.999791
XLOC_004270	XLOC_004270	BSCL2,HNRNPUL2	chr11:62457733-62494857	0.03624	0.999791
XLOC_000509	XLOC_000509	RPL5	chr1:93297593-93427079	0.0364292	0.999791
XLOC_008136	XLOC_008136	CPNE2	chr16:57126454-57181878	0.0364884	0.999791
XLOC_002693	XLOC_002693	SHOC2	chr10:112679300-112773425	0.0365029	0.999791
XLOC_010691	XLOC_010691	ARRDC2	chr19:18111943-18124911	0.036542	0.999791
XLOC_011330	XLOC_011330	LRG1	chr19:4537226-4540036	0.0365536	1
XLOC_000753	XLOC_000753	EFNA1	chr1:155100348-155107386	0.036648	0.999791
XLOC_000972	XLOC_000972	RNPEP	chr1:201951765-201975275	0.036662	0.999791
XLOC_000242	XLOC_000242	ZCCHC17	chr1:31769841-31837780	0.0367018	0.999791
XLOC_013045	XLOC_013045	DUSP2	chr2:96808907-96811179	0.0367275	0.999791
XLOC_015543	XLOC_015543	RPL35A	chr3:197615945-197886886	0.0367609	0.999791
XLOC_007208	XLOC_007208	DTWD1	chr15:49913225-49937333	0.0367835	0.999791
XLOC_017555	XLOC_017555	CLPTM1L	chr5:1317999-1345002	0.0368402	0.999791
XLOC_018618	XLOC_018618	SERPIN9	chr6:2887499-2903546	0.0368658	0.999791
XLOC_013572	XLOC_013572	LOC100134868	chr20:25990434-26002430	0.0368866	0.999791
XLOC_008710	XLOC_008710	EMC8	chr16:85812230-85833148	0.0369009	0.999791
XLOC_005651	XLOC_005651	ARL1	chr12:101786902-101801572	0.0369397	0.999791
XLOC_016782	XLOC_016782	GRSF1	chr4:71681498-71705627	0.036948	0.999791
XLOC_002840	XLOC_002840	NSUN6	chr10:18834263-18940550	0.0369663	0.999791
XLOC_016438	XLOC_016438	RAP1GDS1	chr4:99182526-99365012	0.0369746	0.999791
XLOC_002080	XLOC_002080	TPR	chr1:185703682-186446655	0.0369823	0.999791
XLOC_001711	XLOC_001711	WDR77	chr1:111982511-112004525	0.0370478	0.999791
XLOC_015657	XLOC_015657	ZDHC3	chr3:44956752-45017674	0.0373074	0.999791

XLOC_000005	XLOC_000005	LOC643837	chr1:762970-794826	0.0373106	0.999791
XLOC_003363	XLOC_003363	NAV2	chr11:19372270-20143147	0.0373198	0.999791
XLOC_010513	XLOC_010513	HSD11B1L	chr19:5678432-5688534	0.0373228	0.999791
XLOC_007160	XLOC_007160	RTF1	chr15:41709301-41775761	0.0373287	0.999791
XLOC_005102	XLOC_005102	CUX2	chr12:111471827-111788358	0.0373421	1
XLOC_002458	XLOC_002458	AGAP6	chr10:51748077-51770259	0.0373834	0.999791
XLOC_021220	XLOC_021220	GIGYF1	chr7:100277129-100286870	0.0373907	0.999791
XLOC_002654	XLOC_002654	BTRC	chr10:103113789-103317078	0.0374204	0.999791
XLOC_017721	XLOC_017721	LOC100131067	chr5:80256507-81047072	0.0374571	0.999791
XLOC_009655	XLOC_009655	RPL23	chr17:37006320-37010053	0.0374989	0.999791
XLOC_012711	XLOC_012711	GIGYF2	chr2:233562014-233725289	0.0375399	0.999791
XLOC_023559	XLOC_023559	TMEM164	chrX:109245862-109421016	0.0375623	0.999791
XLOC_012325	XLOC_012325	INPP4A	chr2:99061320-99207496	0.0376131	0.999791
XLOC_005246	XLOC_005246	ACRBP	chr12:6747241-6756580	0.037764	1
XLOC_004860	XLOC_004860	KRT86	chr12:52695648-52702947	0.0377649	1
XLOC_023346	XLOC_023346	PHF16	chrX:46771735-46920641	0.0378003	0.999791
XLOC_012126	XLOC_012126	SPAST	chr2:32288679-32382706	0.0378203	0.999791
XLOC_009883	XLOC_009883	RNFT1	chr17:58029722-58042117	0.0378359	0.999791
XLOC_000890	XLOC_000890	KLHL20	chr1:173684079-173755840	0.0378368	0.999791
XLOC_017346	XLOC_017346	CTNNA1	chr5:138089106-138270723	0.0378861	0.999791
XLOC_017206	XLOC_017206	SCAMP1	chr5:77656338-77776562	0.0378898	0.999791
XLOC_001500	XLOC_001500	ELOVL1	chr1:43829067-43833745	0.0379316	0.999791
XLOC_004659	XLOC_004659	CCND2	chr12:4382901-4414522	0.037933	0.999791
XLOC_012949	XLOC_012949	C1D	chr2:68269331-68290159	0.0379623	0.999791
XLOC_011818	XLOC_011818	BCAT2	chr19:49298318-49314320	0.0379726	0.999791
XLOC_009769	XLOC_009769	TMEM101	chr17:42088555-42092345	0.0380454	0.999791
XLOC_000046	XLOC_000046	DFFB	chr1:3773844-3801993	0.0380911	0.999791
XLOC_015478	XLOC_015478	VWA5B2	chr3:183948316-183967313	0.0380961	0.999791
XLOC_020946	XLOC_020946	SNX13	chr7:17830384-17980131	0.0381101	0.999791
XLOC_015350	XLOC_015350	SRPRB	chr3:133502876-133540336	0.0381272	0.999791
XLOC_005202	XLOC_005202	FBRSL1	chr12:133067156-133161773	0.038136	0.999791
XLOC_002258	XLOC_002258	B3GALNT2	chr1:235530727-235667781	0.0381693	0.999791
XLOC_011520	XLOC_011520	ANO8	chr19:17420336-17445638	0.0381706	0.999791
XLOC_006713	XLOC_006713	PSMB5	chr14:23495059-23504429	0.0381793	0.999791
XLOC_015061	XLOC_015061	ZNF35	chr3:44690232-44702283	0.0381853	0.999791
XLOC_006046	XLOC_006046	LNX2	chr13:28120049-28194720	0.038186	0.999791
XLOC_014631	XLOC_014631	GRAMD4	chr22:47022657-47075688	0.0381865	0.999791
XLOC_005427	XLOC_005427	DDN	chr12:49388932-49393088	0.0381879	0.999791
XLOC_017158	XLOC_017158	SREK1	chr5:65440045-65479444	0.0382461	0.999791
XLOC_017802	XLOC_017802	SHROOM1	chr5:132157832-132166590	0.0382894	0.999791
XLOC_003176	XLOC_003176	OAT	chr10:126085871-126107545	0.0383083	0.999791
XLOC_002407	XLOC_002407	ZNF33A	chr10:38299577-38348995	0.0383134	0.999791
XLOC_001317	XLOC_001317	EMC1	chr1:19542157-19578053	0.0383891	0.999791
XLOC_010177	XLOC_010177	ELP2	chr18:33709836-33754688	0.0384056	0.999791
XLOC_004324	XLOC_004324	LOC254100	chr11:65336690-65337884	0.0384083	0.999791
XLOC_003106	XLOC_003106	NPM3	chr10:103541081-103543170	0.0384507	0.999791
XLOC_010610	XLOC_010610	ZNF791	chr19:12721731-12740676	0.0384739	0.999791
XLOC_005209	XLOC_005209	ZNF10	chr12:133707213-133736049	0.0384797	0.999791
XLOC_004135	XLOC_004135	C11orf91	chr11:33719653-33722286	0.0384949	0.999791
XLOC_005532	XLOC_005532	PTGES3	chr12:57057124-57082078	0.0385327	0.999791
XLOC_008715	XLOC_008715	FBXO31	chr16:87362941-87425708	0.0385454	0.999791
XLOC_003594	XLOC_003594	RPS6KA4	chr11:64126624-64139687	0.0385699	0.999791
XLOC_018447	XLOC_018447	RPF2	chr6:111303290-111346794	0.0385852	0.999791
XLOC_002238	XLOC_002238	C1orf198	chr1:230972864-231005335	0.0386344	0.999791
XLOC_013360	XLOC_013360	TMBIM1	chr2:219135114-219211516	0.0387263	0.999791
XLOC_004162	XLOC_004162	ARHGAP1	chr11:46698624-46722215	0.038792	0.999791
XLOC_014394	XLOC_014394	IL17RA	chr22:17565848-17596584	0.0388562	0.999791
XLOC_023069	XLOC_023069	NR6A1	chr9:127284702-127533576	0.0389241	0.999791
XLOC_012844	XLOC_012844	PPM1G	chr2:27604065-27632550	0.0389242	0.999791
XLOC_021781	XLOC_021781	TIGD5	chr8:144680073-144682485	0.0389941	0.999791
XLOC_017393	XLOC_017393	NDFIP1	chr5:141488323-141534008	0.039046	0.999791
XLOC_011555	XLOC_011555	ATP13A1	chr19:19756009-19774503	0.039051	0.999791
XLOC_002618	XLOC_002618	LCOR	chr10:98592016-98724198	0.0390512	0.999791
XLOC_009276	XLOC_009276	KCTD2	chr17:73043278-73061981	0.0390632	0.999791
XLOC_021011	XLOC_021011	HERPUD2	chr7:35672269-35734772	0.0391246	0.999791
XLOC_009999	XLOC_009999	LOC100131096	chr17:76000317-76107880	0.0391473	0.999791
XLOC_000021	XLOC_000021	LOC148413	chr1:1334909-1342693	0.0391474	0.999791
XLOC_015013	XLOC_015013	C3orf35	chr3:37440967-37476988	0.0391605	1
XLOC_000521	XLOC_000521	RWDD3, TMEM56, TMEM56-RWD	chr1:9558072-95712781	0.039187	0.999791
XLOC_003266	XLOC_003266	RRM1	chr11:4115923-4160106	0.0392365	0.999791
XLOC_020422	XLOC_020422	PLEKHA8	chr7:30067976-30157961	0.0392401	0.999791
XLOC_008895	XLOC_008895	SMCR7	chr17:18163847-18169095	0.0392842	0.999791
XLOC_000591	XLOC_000591	RAP1A	chr1:112162404-112256101	0.039309	0.999791
XLOC_010999	XLOC_010999	SPHK2	chr19:49118583-49133663	0.0393321	0.999791
XLOC_018629	XLOC_018629	LYRM4	chr6:5108652-5261172	0.0393453	0.999791
XLOC_000669	XLOC_000669	VPS4A	chr1:150039341-150117505	0.0393519	0.999791
XLOC_011704	XLOC_011704	GSK3A	chr19:42734337-42746736	0.0394236	0.999791
XLOC_014791	XLOC_014791	RBFOX2	chr22:36134782-36424585	0.0394701	0.999791
XLOC_001525	XLOC_001525	MKNK1	chr1:47004367-47069966	0.039504	0.999791

XLOC_021521	XLOC_021521	CDCA2	chr8:25316512-25365425	0.0395304	0.999791
XLOC_023444	XLOC_023444	YIPF6	chrX:67718623-6775127	0.0395377	0.999791
XLOC_008437	XLOC_008437	FOPNL	chr16:15959576-15982447	0.0395623	0.999791
XLOC_023620	XLOC_023620	HPRT1	chrX:133594174-133634698	0.0395796	0.999791
XLOC_007648	XLOC_007648	RPL4	chr15:66791652-66797193	0.0395898	0.999791
XLOC_012196	XLOC_012196	KIAA1841	chr2:61293005-61365169	0.039612	0.999791
XLOC_020335	XLOC_020335	GPER	chr7:1036622-1177893	0.0396426	1
XLOC_009845	XLOC_009845	LRRC59	chr17:48450580-48474914	0.0396979	0.999791
XLOC_015916	XLOC_015916	SLC12A8	chr3:124801479-124931609	0.0397591	0.999791
XLOC_000223	XLOC_000223	PPP1R8	chr1:28157251-28178183	0.0397649	0.999791
XLOC_014136	XLOC_014136	SOD1	chr21:33031934-33041243	0.0397783	0.999791
XLOC_000888	XLOC_000888	PRDX6	chr1:173446485-173457946	0.0397793	0.999791
XLOC_022721	XLOC_022721	RANBP6	chr9:6011018-6015640	0.0397803	0.999791
XLOC_018883	XLOC_018883	MRPL2	chr6:43021766-43027242	0.0398271	0.999791
XLOC_022501	XLOC_022501	AKAP2,PALM2,PALM2-AKAP2	chr9:112403067-112934791	0.0398615	0.999791
XLOC_014818	XLOC_014818	BAIAP2L2	chr22:38480895-38506676	0.0398659	1
XLOC_023167	XLOC_023167	INPP5E	chr9:139323066-139334256	0.0398678	0.999791
XLOC_000075	XLOC_000075	KIF1B	chr1:10270763-10441661	0.0398774	0.999791
XLOC_009458	XLOC_009458	YBX2	chr17:7191570-7197876	0.0398815	1
XLOC_009047	XLOC_009047	CDC6	chr17:38444145-38459413	0.0398844	0.999791
XLOC_020659	XLOC_020659	SLC12A9	chr7:100450340-100464634	0.0399486	0.999791
XLOC_011264	XLOC_011264	POLRMT	chr19:617222-633568	0.0399731	0.999791
XLOC_004654	XLOC_004654	RHNO1	chr12:2945981-2998691	0.0400053	0.999791
XLOC_021348	XLOC_021348	SLC37A3	chr7:140033551-140098311	0.0400079	0.999791
XLOC_021978	XLOC_021978	SLC20A2	chr8:42273979-42408140	0.0400161	0.999791
XLOC_021480	XLOC_021480	ZDHHC2	chr8:17013835-17080241	0.0400482	0.999791
XLOC_000177	XLOC_000177	TCEB3	chr1:24069855-24104787	0.0400961	0.999791
XLOC_010016	XLOC_010016	TBC1D16	chr17:77906141-78009657	0.0401037	0.999791
XLOC_006200	XLOC_006200	GGACT	chr13:100741268-101241046	0.0401251	0.999791
XLOC_005521	XLOC_005521	CS	chr12:56665482-56694175	0.0401274	0.999791
XLOC_020933	XLOC_020933	ICA1	chr7:8152814-8302242	0.0401348	0.999791
XLOC_003505	XLOC_003505	FAM111B	chr11:58874657-58894888	0.0401397	0.999791
XLOC_007242	XLOC_007242	LACTB	chr15:63413998-63434260	0.0401716	0.999791
XLOC_021027	XLOC_021027	PSMA2	chr7:42956461-42971805	0.0401929	0.999791
XLOC_014149	XLOC_014149	SON	chr21:34915349-34949812	0.0402599	0.999791
XLOC_007823	XLOC_007823	SOLH	chr16:577855-604636	0.0402638	0.999791
XLOC_012153	XLOC_012153	PKDCC	chr2:42275160-42285668	0.0402843	0.999791
XLOC_008332	XLOC_008332	TSR3	chr16:1383605-1401873	0.0403078	0.999791
XLOC_010018	XLOC_010018	SGSH	chr17:78143790-78194199	0.0403098	0.999791
XLOC_006487	XLOC_006487	PSMC1	chr14:90722893-90738966	0.0403234	0.999791
XLOC_018174	XLOC_018174	MRPS18B	chr6:30585485-30594174	0.0403486	0.999791
XLOC_014832	XLOC_014832	CBX7	chr22:39526778-39548538	0.0403786	0.999791
XLOC_004688	XLOC_004688	LRRC23	chr12:7013896-7023406	0.0404266	0.999791
XLOC_008621	XLOC_008621	FHOD1	chr16:67263291-67281425	0.040437	0.999791
XLOC_008163	XLOC_008163	PDP2	chr16:66914382-66925002	0.0404538	0.999791
XLOC_022967	XLOC_022967	TSTD2	chr9:100263461-100436029	0.0404842	0.999791
XLOC_000781	XLOC_000781	RRNAD1	chr1:156698262-156706752	0.0405032	0.999791
XLOC_005133	XLOC_005133	PRKAB1	chr12:120105760-120119429	0.0405597	0.999791
XLOC_003845	XLOC_003845	UBE4A	chr11:118230295-118289530	0.0405699	0.999791
XLOC_009848	XLOC_009848	ANKRD40	chr17:48770550-48785270	0.0405861	0.999791
XLOC_018475	XLOC_018475	HSF2	chr6:122720695-122754264	0.0405936	0.999791
XLOC_017811	XLOC_017811	PPP2CA	chr5:133532147-133561950	0.0406386	0.999791
XLOC_015466	XLOC_015466	B3GNT5	chr3:182895830-183145855	0.0406484	0.999791
XLOC_007821	XLOC_007821	DECR2	chr16:451857-462487	0.0406485	0.999791
XLOC_010582	XLOC_010582	QTRT1	chr19:10812111-10824043	0.0406691	0.999791
XLOC_023929	XLOC_023929	RPS4X	chrX:71492452-71497141	0.0408143	0.999791
XLOC_017463	XLOC_017463	MAT2B	chr5:162930069-162946359	0.040855	0.999791
XLOC_021713	XLOC_021713	EMC2	chr8:109455852-109499136	0.0408629	0.999791
XLOC_015000	XLOC_015000	CMTM8	chr3:32280170-32411813	0.0408692	0.999791
XLOC_007860	XLOC_007860	NDUFB10	chr16:2009516-2011976	0.0409722	0.999791
XLOC_023609	XLOC_023609	BCORL1	chrX:129139163-129192058	0.0410477	0.999791
XLOC_007209	XLOC_007209	SLC27A2	chr15:50474392-50528589	0.0410721	0.999791
XLOC_007401	XLOC_007401	NGRN	chr15:90808894-90815443	0.0410754	0.999791
XLOC_004786	XLOC_004786	KLHL42	chr12:27933186-27955973	0.041086	0.999791
XLOC_010426	XLOC_010426	HCN2	chr19:589892-617159	0.0411326	1
XLOC_010927	XLOC_010927	BCAM	chr19:45312315-45324678	0.0411331	0.999791
XLOC_011383	XLOC_011383	NDUFA7	chr19:8376183-8386280	0.0411512	0.999791
XLOC_009235	XLOC_009235	CEP95	chr17:62503157-62534062	0.0412166	0.999791
XLOC_020531	XLOC_020531	SBDSP1	chr7:72299951-72307978	0.0412331	0.999791
XLOC_016688	XLOC_016688	DCAF16	chr4:17802277-17812381	0.0412861	0.999791
XLOC_008055	XLOC_008055	FBRS	chr16:30675777-30682131	0.0412922	0.999791
XLOC_010767	XLOC_010767	UBA2	chr19:34919267-34960798	0.0412935	0.999791
XLOC_002924	XLOC_002924	ARHGAP22	chr10:49654067-49864310	0.0413417	0.999791
XLOC_013504	XLOC_013504	ITPA	chr20:3189513-3204516	0.0413812	0.999791
XLOC_003618	XLOC_003618	SSSCA1	chr11:65337942-65339239	0.0414534	0.999791
XLOC_007835	XLOC_007835	STUB1	chr16:730114-734439	0.0414721	0.999791
XLOC_001222	XLOC_001222	LOC100133445	chr1:2487207-2495267	0.041484	0.999791
XLOC_017982	XLOC_017982	LOC202181	chr5:177045500-177099278	0.0414931	0.999791
XLOC_016630	XLOC_016630	CTBP1	chr4:1205227-1242908	0.0415469	0.999791

XLOC_021906	XLOC_021906	BIN3	chr8:22462144-22526661	0.0415865	0.999791
XLOC_000172	XLOC_000172	KDM1A	chr1:23345940-23410184	0.0415869	0.999791
XLOC_023979	XLOC_023979	BTX	chrX:100604434-100641212	0.0415993	1
XLOC_012290	XLOC_012290	LINC00152	chr2:87754973-87821030	0.0416102	0.999791
XLOC_018310	XLOC_018310	CUL9	chr6:43149921-43192325	0.0416208	0.999791
XLOC_003717	XLOC_003717	RPS3	chr1:175110534-75133345	0.0416274	0.999791
XLOC_015397	XLOC_015397	EIF2A	chr3:150264573-150303803	0.04164	0.999791
XLOC_016698	XLOC_016698	CCDC149	chr4:24807738-24981826	0.0417451	0.999791
XLOC_016180	XLOC_016180	FAM193A	chr4:2627158-2734302	0.0418056	0.999791
XLOC_008027	XLOC_008027	LAT	chr16:28996146-29002104	0.0418615	0.999791
XLOC_015062	XLOC_015062	ZNF502	chr3:44754134-44765323	0.0418838	0.999791
XLOC_001512	XLOC_001512	ZSWIM5	chr1:45482075-45672250	0.0418917	1
XLOC_017453	XLOC_017453	TTC1	chr5:159436179-159492550	0.0418963	0.999791
XLOC_016929	XLOC_016929	SCLT1	chr4:129805151-130014764	0.0419117	0.999791
XLOC_015833	XLOC_015833	PROS1	chr3:93591880-93692934	0.0419488	0.999791
XLOC_007933	XLOC_007933	PMM2	chr16:8891669-8943194	0.0419503	0.999791
XLOC_019137	XLOC_019137	NUP43	chr6:150045456-150067688	0.0419576	0.999791
XLOC_009569	XLOC_009569	SLC46A1	chr17:26698986-26733230	0.0419974	0.999791
XLOC_003097	XLOC_003097	NDUFB8	chr10:102283496-102289636	0.0420443	0.999791
XLOC_000302	XLOC_000302	MFSD2A	chr1:40420783-40435628	0.0420842	0.999791
XLOC_008868	XLOC_008868	ZNF286A	chr17:15602890-15624100	0.0421112	0.999791
XLOC_022903	XLOC_022903	HNRNPK	chr9:86582997-86595569	0.0421469	0.999791
XLOC_018994	XLOC_018994	UBE2J1	chr6:90036343-90062619	0.0421499	0.999791
XLOC_019147	XLOC_019147	FBXO5	chr6:153291657-153304740	0.0421774	0.999791
XLOC_006102	XLOC_006102	NUFIP1	chr13:45513383-45563613	0.0421776	0.999791
XLOC_015431	XLOC_015431	PPM1L	chr3:160473995-160788817	0.0421982	1
XLOC_014057	XLOC_014057	PPP1R3D	chr20:58508818-58523702	0.0422233	0.999791
XLOC_007662	XLOC_007662	TLE3	chr15:70340542-70390256	0.042224	0.999791
XLOC_016893	XLOC_016893	PITX2	chr4:111538579-111563279	0.0422293	0.999791
XLOC_014991	XLOC_014991	CMC1	chr3:28283123-28361263	0.042246	0.999791
XLOC_015639	XLOC_015639	CSRNP1	chr3:39183341-39195102	0.0422955	0.999791
XLOC_000631	XLOC_000631	LOC100130000	chr1:143687129-143714180	0.0423609	1
XLOC_000090	XLOC_000090	MFN2	chr1:12040237-12073572	0.0423864	0.999791
XLOC_002030	XLOC_002030	GAS5	chr1:173832385-173837125	0.0423947	0.999791
XLOC_000867	XLOC_000867	ATP1B1	chr1:169075946-169337186	0.0425379	0.999791
XLOC_006938	XLOC_006938	TRIP11	chr14:92432422-92506403	0.0425618	0.999791
XLOC_012890	XLOC_012890	ZFP36L2	chr2:43449540-43453745	0.0425788	0.999791
XLOC_010393	XLOC_010393	KDSR	chr18:60994970-61034506	0.0425892	0.999791
XLOC_010672	XLOC_010672	OCEL1	chr19:17337054-17340028	0.0425956	0.999791
XLOC_000768	XLOC_000768	LAMTOR2	chr1:156024516-156028301	0.0426395	0.999791
XLOC_003223	XLOC_003223	PTDSS2	chr11:450279-491387	0.0426614	0.999791
XLOC_014330	XLOC_014330	HMGN1	chr21:40714240-40721047	0.0426784	0.999791
XLOC_014166	XLOC_014166	TTC3	chr21:38445570-38575408	0.0427035	0.999791
XLOC_006968	XLOC_006968	BCL11B	chr14:99635624-99737822	0.0427046	1
XLOC_003094	XLOC_003094	BLOC1S2	chr10:102033034-102046469	0.0427678	0.999791
XLOC_006914	XLOC_006914	SPTLC2	chr14:77972339-78083110	0.0427913	0.999791
XLOC_016843	XLOC_016843	PYURF	chr4:89442128-89444952	0.0428659	0.999791
XLOC_008973	XLOC_008973	SUZ12	chr17:30264043-30328057	0.042931	0.999791
XLOC_020742	XLOC_020742	LOC100130705	chr7:128506463-128512101	0.0429345	0.999791
XLOC_018164	XLOC_018164	ZNRD1	chr6:30029035-30032686	0.0430705	0.999791
XLOC_018294	XLOC_018294	BYSL	chr6:41888964-41900784	0.0430969	0.999791
XLOC_001223	XLOC_001223	MMEL1	chr1:2517898-2564481	0.0431317	0.999791
XLOC_005598	XLOC_005598	E2F7	chr12:77415025-77459360	0.0431541	0.999791
XLOC_017355	XLOC_017355	CYSTM1	chr5:139554652-139623374	0.0432391	0.999791
XLOC_012383	XLOC_012383	IL37	chr2:113670547-113676458	0.0432472	1
XLOC_017401	XLOC_017401	TCERG1	chr5:145826872-145891069	0.0432665	0.999791
XLOC_009828	XLOC_009828	SNF8	chr17:47007458-47022154	0.0433266	0.999791
XLOC_006321	XLOC_006321	FAM177A1	chr14:35514112-35552589	0.0433468	0.999791
XLOC_023288	XLOC_023288	PDHA1	chrX:19362010-19533379	0.0433698	0.999791
XLOC_010994	XLOC_010994	GRWD1	chr19:48949029-48957164	0.0433831	0.999791
XLOC_011413	XLOC_011413	S1PR2	chr19:10332108-10341948	0.043388	0.999791
XLOC_019114	XLOC_019114	REPS1	chr6:139225619-139309398	0.0434431	0.999791
XLOC_015681	XLOC_015681	SMARCC1	chr3:47627377-47823405	0.043474	0.999791
XLOC_007715	XLOC_007715	TBC1D2B	chr15:78287326-78369994	0.0435084	0.999791
XLOC_003401	XLOC_003401	CD44	chr11:35160416-35253949	0.0435348	0.999791
XLOC_005541	XLOC_005541	STAT6	chr12:57482676-57505196	0.0435366	0.999791
XLOC_001382	XLOC_001382	SLC9A1	chr1:27425299-27481621	0.0435491	0.999791
XLOC_003241	XLOC_003241	LOC255512	chr11:1330937-1331937	0.0435517	0.999791
XLOC_021981	XLOC_021981	RNF170	chr8:42704779-42751866	0.0435991	0.999791
XLOC_017544	XLOC_017544	PP7080	chr5:470624-473080	0.0436327	0.999791
XLOC_013328	XLOC_013328	METTL21A	chr2:208473838-208489973	0.0436573	0.999791
XLOC_001543	XLOC_001543	EPS15	chr1:51819934-51984995	0.0436628	0.999791
XLOC_008099	XLOC_008099	NKD1	chr16:50582240-50674771	0.0437109	0.999791
XLOC_010891	XLOC_010891	ZNF574	chr19:42580289-42585720	0.0437703	0.999791
XLOC_021191	XLOC_021191	ZNF394	chr7:99090853-99097877	0.0437784	0.999791
XLOC_016519	XLOC_016519	SMARCA5	chr4:144434615-144478642	0.0438086	0.999791
XLOC_018571	XLOC_018571	SNX9	chr6:158244293-158366109	0.043832	0.999791
XLOC_003711	XLOC_003711	POLD3	chr11:74303574-74354105	0.0438431	0.999791
XLOC_021654	XLOC_021654	E2F5	chr8:86089618-86132643	0.0439267	0.999791

XLOC_021073	XLOC_021073	CHCHD2	chr7:56169265-56174187	0.0440245	0.999791
XLOC_014074	XLOC_014074	YTHDF1	chr20:61826781-61847538	0.0440841	0.999791
XLOC_012107	XLOC_012107	ZNF512	chr2:27805835-27846082	0.0441104	0.999791
XLOC_012606	XLOC_012606	EEF1B2	chr2:207024317-207027653	0.0441386	0.999791
XLOC_001673	XLOC_001673	LRRC39	chr1:100598705-100643829	0.0441896	0.999791
XLOC_010307	XLOC_010307	TMEM241	chr18:20875978-21017925	0.0441942	0.999791
XLOC_023166	XLOC_023166	SDCCAG3	chr9:139296373-139305054	0.0442046	0.999791
XLOC_002331	XLOC_002331	RBM17	chr10:6130948-6159422	0.0443645	0.999791
XLOC_023816	XLOC_023816	MED14	chrX:40508794-40594804	0.0443883	0.999791
XLOC_014649	XLOC_014649	LOC100144603	chr22:51021454-51022355	0.0444238	0.999791
XLOC_021046	XLOC_021046	SNHG15	chr7:45022626-45026259	0.0444527	0.999791
XLOC_023086	XLOC_023086	AK1	chr9:130628758-130640022	0.0444662	0.999791
XLOC_021895	XLOC_021895	CSGALNACT1	chr8:19261671-19540261	0.0444773	1
XLOC_005544	XLOC_005544	R3HDM2	chr12:57647547-57704246	0.0444931	0.999791
XLOC_022517	XLOC_022517	ZNF618	chr9:116638561-116818875	0.0445167	0.999791
XLOC_006786	XLOC_006786	FKBP3	chr14:45553301-45603732	0.0445338	0.999791
XLOC_014013	XLOC_014013	SLC13A3,TP53RK	chr20:45186461-45318276	0.0445881	0.999791
XLOC_015030	XLOC_015030	RPSA	chr3:39448203-39454032	0.0446536	0.999791
XLOC_015526	XLOC_015526	FAM43A	chr3:194406621-194409766	0.0446578	0.999791
XLOC_022339	XLOC_022339	NPR2	chr9:35792405-35812259	0.0447056	0.999791
XLOC_017349	XLOC_017349	PAIP2	chr5:138677518-138719039	0.0447474	0.999791
XLOC_005739	XLOC_005739	MSI1	chr12:120779132-120806983	0.0447685	0.999791
XLOC_016593	XLOC_016593	TRAPPC11	chr4:184580419-184634747	0.0447718	0.999791
XLOC_007886	XLOC_007886	PDPK1	chr16:2587964-2653191	0.0448032	0.999791
XLOC_005222	XLOC_005222	DCP1B	chr12:2055213-2113677	0.0448139	0.999791
XLOC_015224	XLOC_015224	NIT2	chr3:100053561-100074478	0.0448579	0.999791
XLOC_009324	XLOC_009324	GAA	chr17:78075354-78093679	0.0448831	0.999791
XLOC_021507	XLOC_021507	KIAA1967	chr8:22462144-22526661	0.0449109	0.999791
XLOC_017672	XLOC_017672	SMIM15	chr5:60453535-60458302	0.0449416	0.999791
XLOC_002227	XLOC_002227	TRIM11	chr1:228581376-228594517	0.0449566	0.999791
XLOC_013620	XLOC_013620	ACSS2	chr20:33462765-33515769	0.0449761	0.999791
XLOC_001583	XLOC_001583	TM2D1	chr1:62146718-62191095	0.0449953	0.999791
XLOC_013580	XLOC_013580	HM13	chr20:30102240-30116066	0.044997	0.999791
XLOC_011735	XLOC_011735	ZNF404	chr19:44376514-44384288	0.0450316	0.999791
XLOC_001212	XLOC_001212	GNB1	chr1:1716724-1822526	0.0450954	0.999791
XLOC_002801	XLOC_002801	ANKRD16	chr10:5903688-5979558	0.0451195	0.999791
XLOC_018009	XLOC_018009	MGAT1	chr5:180217540-180237137	0.0451206	0.999791
XLOC_012312	XLOC_012312	NCAPH	chr2:97001483-97041274	0.0451419	0.999791
XLOC_014628	XLOC_014628	TTC38	chr22:46663860-46689905	0.0451974	0.999791
XLOC_008333	XLOC_008333	UNKL	chr16:1401899-1464705	0.04523	0.999791
XLOC_023366	XLOC_023366	PORCN	chrX:48367370-48379202	0.0452513	0.999791
XLOC_000409	XLOC_000409	ACOT11	chr1:55013806-55100417	0.0452522	1
XLOC_024048	XLOC_024048	C1GALT1C1	chrX:119759528-119764005	0.0453005	0.999791
XLOC_013827	XLOC_013827	FASTKD5,UBOX5	chr20:3087556-3140556	0.0453776	0.999791
XLOC_008628	XLOC_008628	ENKD1	chr16:67696849-67700628	0.0453838	0.999791
XLOC_022154	XLOC_022154	MRPL13	chr8:121408082-121535875	0.0453917	0.999791
XLOC_023558	XLOC_023558	NXT2	chrX:108779009-108787927	0.0454253	0.999791
XLOC_021544	XLOC_021544	MAK16	chr8:33342684-33370703	0.0454374	0.999791
XLOC_011942	XLOC_011942	LILRB3	chr19:54720146-54726959	0.0454449	1
XLOC_023419	XLOC_023419	TSPYL2	chrX:53111541-53117728	0.0455587	0.999791
XLOC_013632	XLOC_013632	AAR2	chr20:34824338-34844863	0.0456612	0.999791
XLOC_011618	XLOC_011618	COX7A1	chr19:36641823-36643771	0.0456715	1
XLOC_013510	XLOC_013510	PANK2	chr20:3869485-39045002	0.0456879	0.999791
XLOC_012511	XLOC_012511	DYNC1I2	chr2:172543918-172606668	0.0457389	0.999791
XLOC_023365	XLOC_023365	FTSJ1	chrX:48334548-48344752	0.0457544	0.999791
XLOC_020686	XLOC_020686	RINT1	chr7:105172531-105221976	0.0458308	0.999791
XLOC_005450	XLOC_005450	TFCP2	chr12:51487538-51566926	0.0459261	0.999791
XLOC_018328	XLOC_018328	CDC5L	chr6:44355250-44418161	0.04597	0.999791
XLOC_010010	XLOC_010010	CANT1	chr17:76987797-77005899	0.0460113	0.999791
XLOC_009117	XLOC_009117	MAP3K14-AS1	chr17:43325302-43394414	0.0460306	0.999791
XLOC_008646	XLOC_008646	NQO1	chr16:69743303-69760533	0.0460485	0.999791
XLOC_017203	XLOC_017203	AGGF1	chr5:76326209-76361058	0.0460596	0.999791
XLOC_014251	XLOC_014251	MRPL39	chr21:26957967-26979801	0.0460886	0.999791
XLOC_015737	XLOC_015737	TMEM115	chr3:50392179-50396939	0.0461131	0.999791
XLOC_000121	XLOC_000121	DDI2,RSC1A1	chr1:15943952-15988217	0.0461499	0.999791
XLOC_014221	XLOC_014221	COL18A1	chr21:46825096-46933634	0.046223	0.999791
XLOC_002457	XLOC_002457	NCOA4	chr10:51565107-51590734	0.0462383	0.999791
XLOC_005769	XLOC_005769	MPHOSPH9	chr12:123640945-123706441	0.0463169	0.999791
XLOC_009798	XLOC_009798	ARL17A	chr17:44590075-44657088	0.0463241	1
XLOC_001377	XLOC_001377	GNP2	chr1:27205872-27216869	0.0463594	0.999791
XLOC_014632	XLOC_014632	TBC1D22A	chr22:47158517-47571342	0.0464909	0.999791
XLOC_021777	XLOC_021777	GLI4	chr8:144349606-144359101	0.0464918	0.999791
XLOC_023095	XLOC_023095	PTGES2	chr9:130882971-130890741	0.0465103	0.999791
XLOC_001527	XLOC_001527	ATPAF1	chr1:47100710-47134099	0.0465133	0.999791
XLOC_016659	XLOC_016659	GRPEL1	chr4:7061779-7069800	0.0465222	0.999791
XLOC_009412	XLOC_009412	ANKFY1	chr17:40666664-4167274	0.0465295	0.999791
XLOC_001857	XLOC_001857	S100A16	chr1:153579366-153585514	0.0465299	0.999791
XLOC_010834	XLOC_010834	SPRED3	chr19:38880839-38890523	0.0465326	0.999791
XLOC_023009	XLOC_023009	PTGR1	chr9:114287446-114362135	0.0465636	0.999791

XLOC_020700	XLOC_020700	IFRD1	chr7:112063198-112117258	0.0465789	0.999791
XLOC_011530	XLOC_011530	PDE4C	chr19:18318770-18359010	0.0466202	1
XLOC_009672	XLOC_009672	GJD3	chr17:38516904-38520945	0.0466804	0.999791
XLOC_005925	XLOC_005925	TDRD3	chr13:60970590-61148013	0.0466838	0.999791
XLOC_020337	XLOC_020337	MAFK	chr7:1570367-1596066	0.0466932	0.999791
XLOC_014810	XLOC_014810	MFNG	chr22:37865100-37882478	0.0467688	1
XLOC_013812	XLOC_013812	FKBP1A,SDCBP2	chr20:1290554-1373816	0.0468155	0.999791
XLOC_006120	XLOC_006120	RCBTB2	chr13:49063098-49107316	0.04691	1
XLOC_000971	XLOC_000971	TIMM17A	chr1:201924618-201939789	0.0469867	0.999791
XLOC_013921	XLOC_013921	PLAGL2	chr20:30780306-30795546	0.0470204	0.999791
XLOC_021690	XLOC_021690	C8orf47	chr8:99076749-99105838	0.0470485	0.999791
XLOC_021577	XLOC_021577	FNTA	chr8:42911441-42940932	0.0470887	0.999791
XLOC_022837	XLOC_022837	TOMM5	chr9:37588411-37592636	0.0471058	0.999791
XLOC_021008	XLOC_021008	DPY19L1	chr7:34968492-35077653	0.0471078	0.999791
XLOC_011581	XLOC_011581	C19orf12	chr19:30189792-30206696	0.0471394	0.999791
XLOC_006999	XLOC_006999	BRF1	chr14:105675622-105864484	0.0471849	0.999791
XLOC_002316	XLOC_002316	WDR37	chr10:1102775-1178237	0.0472175	0.999791
XLOC_003168	XLOC_003168	ATE1	chr10:123502624-123687546	0.0472636	0.999791
XLOC_020866	XLOC_020866	NUB1	chr7:151038846-151075548	0.0472768	0.999791
XLOC_007922	XLOC_007922	MGRN1	chr16:4674824-4740975	0.0472903	0.999791
XLOC_014235	XLOC_014235	C21orf15	chr21:15215453-15220685	0.0472969	0.999791
XLOC_022120	XLOC_022120	ANKRD46	chr8:101521979-101572014	0.0473023	0.999791
XLOC_015754	XLOC_015754	WDR82	chr3:52288437-52312659	0.0473397	0.999791
XLOC_004426	XLOC_004426	INTS4	chr11:77589765-77705717	0.0473586	0.999791
XLOC_022317	XLOC_022317	ANXA2P2	chr9:33624222-33625532	0.0474822	0.999791
XLOC_010325	XLOC_010325	GAREM	chr18:29843483-30050447	0.0474871	1
XLOC_018306	XLOC_018306	RRP36	chr6:42989384-42997337	0.0475946	0.999791
XLOC_021481	XLOC_021481	VPS37A	chr8:17104400-17271040	0.047654	0.999791
XLOC_006254	XLOC_006254	APEX1	chr14:20923289-20925931	0.0477785	0.999791
XLOC_009112	XLOC_009112	NMT1	chr17:43138679-43186382	0.0478691	0.999791
XLOC_017950	XLOC_017950	STK10	chr5:171469073-171615346	0.0478803	0.999791
XLOC_011689	XLOC_011689	TGFB1	chr19:41836811-41859831	0.0479407	0.999791
XLOC_004344	XLOC_004344	MRPL11	chr1:166202549-66206310	0.047956	0.999791
XLOC_001355	XLOC_001355	FUCA1	chr1:24171571-24194859	0.0479665	0.999791
XLOC_014429	XLOC_014429	LZTR1	chr22:21336557-21353326	0.048105	0.999791
XLOC_009900	XLOC_009900	STRADA	chr17:61780191-61819330	0.0481957	0.999791
XLOC_003650	XLOC_003650	LRFN4	chr1:166615996-66725847	0.0482021	0.999791
XLOC_002021	XLOC_002021	VAMP4	chr1:171669295-171711379	0.0482062	0.999791
XLOC_014503	XLOC_014503	SEC14L2	chr22:30792929-30821291	0.0482278	0.999791
XLOC_017854	XLOC_017854	SRA1	chr5:139929651-139937678	0.0482896	0.999791
XLOC_009459	XLOC_009459	GPS2	chr17:7215977-7218658	0.0483116	0.999791
XLOC_002741	XLOC_002741	PSTK	chr10:124739555-124749907	0.0483353	0.999791
XLOC_016697	XLOC_016697	DHX15	chr4:24529087-24586184	0.0484183	0.999791
XLOC_009341	XLOC_009341	MRPL12	chr17:79670399-79674556	0.0484628	0.999791
XLOC_000555	XLOC_000555	STXBP3	chr1:109289284-109352148	0.0484799	0.999791
XLOC_009281	XLOC_009281	LOC100287042	chr17:73267379-73285530	0.0484867	1
XLOC_022971	XLOC_022971	TRIM14	chr9:100818958-100881488	0.0484887	0.999791
XLOC_014517	XLOC_014517	DEPDC5	chr22:32149936-32303020	0.0485866	0.999791
XLOC_024196	XLOC_024196	G6PD	chrX:153759605-153793261	0.0486062	0.999791
XLOC_002631	XLOC_002631	ZFYVE27	chr10:99496877-99520664	0.048637	0.999791
XLOC_012582	XLOC_012582	BZW1	chr2:201676268-201688569	0.0486466	0.999791
XLOC_000597	XLOC_000597	CAPZA1	chr1:113162074-113214241	0.0486513	0.999791
XLOC_018656	XLOC_018656	KIF13A	chr6:17759413-17987854	0.048705	0.999791
XLOC_015038	XLOC_015038	ZNF619	chr3:40518603-40531728	0.0487169	0.999791
XLOC_001593	XLOC_001593	SLC35D1	chr1:67465014-67520080	0.0487362	0.999791
XLOC_012141	XLOC_012141	NDUFAF7	chr2:37458773-37476303	0.0488012	0.999791
XLOC_009854	XLOC_009854	COX11	chr17:52978051-53046064	0.0488138	0.999791
XLOC_019161	XLOC_019161	RSPH3	chr6:159398265-159421198	0.0488779	0.999791
XLOC_015389	XLOC_015389	GYG1	chr3:148709194-148745456	0.0488789	0.999791
XLOC_008128	XLOC_008128	MT1IP	chr16:56709648-56711653	0.048957	1
XLOC_011728	XLOC_011728	IRGQ	chr19:44088518-44100287	0.0489703	0.999791
XLOC_002209	XLOC_002209	ENAH	chr1:225674533-225840845	0.0489976	0.999791
XLOC_006982	XLOC_006982	CDC42BPB	chr14:103398715-103523742	0.0490275	0.999791
XLOC_000087	XLOC_000087	AGTRAP	chr1:11796141-11810828	0.04905	0.999791
XLOC_022478	XLOC_022478	INVS	chr9:102861501-103063426	0.0490594	0.999791
XLOC_021254	XLOC_021254	SYPL1	chr7:105730813-105753093	0.0491137	0.999791
XLOC_020606	XLOC_020606	CCDC132	chr7:92861652-92990435	0.0491822	0.999791
XLOC_007965	XLOC_007965	TMC7	chr16:18995255-19075262	0.049197	0.999791
XLOC_001242	XLOC_001242	PLEKHG5,TNFRSF25	chr1:6521213-6580121	0.0492145	0.999791
XLOC_020598	XLOC_020598	CLDN12	chr7:90032647-90045268	0.0492483	0.999791
XLOC_016701	XLOC_016701	SEL1L3	chr4:25749048-25864610	0.0492589	0.999791
XLOC_007865	XLOC_007865	GFER	chr16:2034149-2037750	0.0492977	0.999791
XLOC_003544	XLOC_003544	PPP1R32	chr1:161248584-61258400	0.0495342	0.999791
XLOC_018741	XLOC_018741	DHX16	chr6:30614815-30640830	0.0495712	0.999791
XLOC_010675	XLOC_010675	MRPL34	chr19:17416476-17417652	0.049606	0.999791
XLOC_017267	XLOC_017267	SRP19	chr5:112196884-112258031	0.0496066	0.999791
XLOC_005238	XLOC_005238	CD27-AS1	chr12:6548166-6560884	0.0496393	0.999791
XLOC_021967	XLOC_021967	TM2D2	chr8:38846326-38854041	0.0496477	0.999791
XLOC_002320	XLOC_002320	PITRM1-AS1	chr10:3179918-3215033	0.0496587	0.999791

XLOC_016883	XLOC_016883	PAPSS1	chr4:108534821-108641419	0.0496919	0.999791
XLOC_008620	XLOC_008620	LRRRC29	chr16:67241041-67260901	0.0496983	0.999791
XLOC_017533	XLOC_017533	CNOT6	chr5:179921416-180005353	0.0497051	0.999791
XLOC_005011	XLOC_005011	METTL25	chr12:82746082-82873016	0.049734	0.999791
XLOC_009796	XLOC_009796	KANSL1	chr17:44107281-44302740	0.049751	0.999791
XLOC_001097	XLOC_001097	RAB4A,SPHAR	chr1:229406808-229441640	0.0497554	0.999791
XLOC_014741	XLOC_014741	PITPNB	chr22:28247656-28315255	0.0497585	0.999791
XLOC_015650	XLOC_015650	HIGD1A	chr3:42824399-42846027	0.0497944	0.999791
XLOC_008089	XLOC_008089	GPT2	chr16:46918307-46965201	0.0498853	0.999791
XLOC_007664	XLOC_007664	UACA	chr15:70946892-71055850	0.0499643	0.999791
XLOC_013440	XLOC_013440	HES6	chr2:239146907-239148681	0.050012	0.999791
XLOC_013191	XLOC_013191	ACVR1C	chr2:158383278-158485399	0.0500204	1
XLOC_020661	XLOC_020661	SRRT	chr7:100472700-100486285	0.0500418	0.999791
XLOC_021111	XLOC_021111	WBSCR27	chr7:73248920-73256855	0.0500841	0.999791
XLOC_020575	XLOC_020575	LOC100132832	chr7:76668796-76682355	0.0502101	0.999791
XLOC_010312	XLOC_010312	SS18	chr18:23596216-23670611	0.0502371	0.999791
XLOC_000039	XLOC_000039	PRDM16	chr1:2985741-3355185	0.050243	0.999791
XLOC_002780	XLOC_002780	CYP2E1	chr10:135340866-135352620	0.0502809	0.999791
XLOC_005053	XLOC_005053	GAS2L3	chr12:100967488-101018685	0.0502903	1
XLOC_018362	XLOC_018362	KIAA1586	chr6:56911383-56920023	0.0503399	0.999791
XLOC_007143	XLOC_007143	KNSTRN	chr15:40674921-40686489	0.0503409	0.999791
XLOC_021417	XLOC_021417	LMBR1	chr7:156473569-156685902	0.0503578	0.999791
XLOC_008753	XLOC_008753	RPA1	chr17:1733272-1802848	0.0503808	0.999791
XLOC_004267	XLOC_004267	C11orf48	chr11:62430288-62441162	0.0503826	0.999791
XLOC_004678	XLOC_004678	PTMS	chr12:6875540-6880118	0.0504349	0.999791
XLOC_022171	XLOC_022171	FAM84B	chr8:127564682-127570711	0.0504785	0.999791
XLOC_016264	XLOC_016264	ZCCHC4	chr4:25314395-25372005	0.0504908	0.999791
XLOC_016215	XLOC_016215	TRMT44	chr4:8442531-8478282	0.0505512	0.999791
XLOC_021197	XLOC_021197	TRIM4	chr7:99488029-99517223	0.0505747	0.999791
XLOC_004255	XLOC_004255	FADS3	chr1:61640997-61659006	0.0505751	0.999791
XLOC_016205	XLOC_016205	BLOC1S4	chr4:6717841-6719387	0.0506405	0.999791
XLOC_017709	XLOC_017709	AP3B1	chr5:77298149-77590579	0.050748	0.999791
XLOC_012646	XLOC_012646	RQCD1	chr2:219433302-219461158	0.0507787	0.999791
XLOC_015549	XLOC_015549	SUMF1	chr3:4402828-4508966	0.0507801	0.999791
XLOC_014387	XLOC_014387	MCM3AP	chr21:47649157-47705236	0.0507926	0.999791
XLOC_005805	XLOC_005805	SAP18	chr13:21714652-21723224	0.0508872	0.999791
XLOC_023292	XLOC_023292	SMS	chrX:21958690-22012955	0.0509022	0.999791
XLOC_023198	XLOC_023198	EXD3	chr9:140201347-140317714	0.0509765	0.999791
XLOC_005520	XLOC_005520	ANKRD52	chr12:56623819-56652143	0.0510068	0.999791
XLOC_006470	XLOC_006470	SLIRP	chr14:78174413-78183941	0.0510228	0.999791
XLOC_012821	XLOC_012821	ADCY3	chr2:25013135-25142055	0.0510559	0.999791
XLOC_000612	XLOC_000612	ATP1A1	chr1:116915794-116961244	0.0510783	0.999791
XLOC_019155	XLOC_019155	TMEM242	chr6:157710053-157745253	0.0511294	0.999791
XLOC_009356	XLOC_009356	FOXK2	chr17:80477593-80562483	0.0511527	0.999791
XLOC_012765	XLOC_012765	TMEM18	chr2:667972-677439	0.0511781	0.999791
XLOC_004480	XLOC_004480	CCDC82	chr11:96085928-96123083	0.0511879	0.999791
XLOC_018051	XLOC_018051	TMEM14B	chr6:10747994-10757214	0.0511903	0.999791
XLOC_018485	XLOC_018485	NCOA7	chr6:126102306-126253176	0.0512187	0.999791
XLOC_002616	XLOC_002616	ZNF518A	chr10:97889471-97923517	0.0513012	0.999791
XLOC_011485	XLOC_011485	GIPC1	chr19:14588570-14606961	0.0513097	0.999791
XLOC_023847	XLOC_023847	QTUD5	chrX:48779302-48815648	0.0513141	0.999791
XLOC_010964	XLOC_010964	SAE1	chr19:47634079-47713893	0.0514932	0.999791
XLOC_010144	XLOC_010144	GATA6	chr18:19749403-19782491	0.0514942	0.999791
XLOC_002688	XLOC_002688	MXI1	chr10:111967362-112047123	0.0515969	0.999791
XLOC_002397	XLOC_002397	BAMBI	chr10:28966423-28971868	0.0515981	0.999791
XLOC_000691	XLOC_000691	PSMD4	chr1:151227196-151239954	0.051652	0.999791
XLOC_000023	XLOC_000023	VWA1	chr1:1370902-1378262	0.0517197	0.999791
XLOC_008266	XLOC_008266	KIAA0513	chr16:85061409-85127828	0.0517344	0.999791
XLOC_005210	XLOC_005210	ZNF268	chr12:133757994-133783697	0.0517815	0.999791
XLOC_021604	XLOC_021604	CHD7	chr8:61591323-61780586	0.0517884	0.999791
XLOC_017095	XLOC_017095	SUB1	chr5:32585604-32604185	0.0518602	0.999791
XLOC_001430	XLOC_001430	RNF19B	chr1:33402049-33430286	0.0518725	0.999791
XLOC_020512	XLOC_020512	ZNF273	chr7:64363619-64391955	0.051988	0.999791
XLOC_000112	XLOC_000112	PRDM2	chr1:14026734-14151574	0.0519918	0.999791
XLOC_014145	XLOC_014145	IFNAR2	chr21:34602230-34636820	0.0520458	0.999791
XLOC_003014	XLOC_003014	POLR3A	chr10:79734906-79789298	0.0520597	0.999791
XLOC_014511	XLOC_014511	SMTN	chr22:31477281-31500610	0.052078	0.999791
XLOC_005592	XLOC_005592	KRR1	chr12:75874512-75905418	0.0520912	0.999791
XLOC_020617	XLOC_020617	ACN9	chr7:96745904-96811075	0.0521821	0.999791
XLOC_010764	XLOC_010764	KIAA0355	chr19:34745455-34846471	0.0521931	0.999791
XLOC_004669	XLOC_004669	CD9	chr12:6309481-6347437	0.0522099	0.999791
XLOC_002838	XLOC_002838	PTPLA	chr10:17631957-17659373	0.0522372	0.999791
XLOC_021693	XLOC_021693	OSR2	chr8:99956630-99964326	0.0523072	0.999791
XLOC_008355	XLOC_008355	PKD1	chr16:2097989-2185899	0.0523871	0.999791
XLOC_020694	XLOC_020694	SLC26A4	chr7:107296960-107358252	0.0525539	1
XLOC_017985	XLOC_017985	NHP2	chr5:177576464-177580961	0.0525608	0.999791
XLOC_021345	XLOC_021345	HIPK2	chr7:139246315-139477693	0.0525686	0.999791
XLOC_020682	XLOC_020682	PMPCB	chr7:102937872-102985320	0.0526295	0.999791
XLOC_014611	XLOC_014611	SAMM50	chr22:44351260-44392412	0.052631	0.999791

XLOC_014456	XLOC_014456	MMP11	chr22:24115035-24126503	0.0526589	0.999791
XLOC_012247	XLOC_012247	DGUOK	chr2:74153952-74186088	0.0526807	0.999791
XLOC_002815	XLOC_002815	UPF2	chr10:11962020-12085169	0.0527213	0.999791
XLOC_023509	XLOC_023509	DIAPH2	chrX:95939661-96855597	0.0527409	0.999791
XLOC_017780	XLOC_017780	LOX	chr5:121398889-121414055	0.0527765	0.999791
XLOC_004133	XLOC_004133	CCDC73	chr11:32605312-32816187	0.0527996	0.999791
XLOC_007570	XLOC_007570	FAM227B	chr15:49447975-49913118	0.0528605	0.999791
XLOC_008444	XLOC_008444	ARL6IP1	chr16:18802990-18812857	0.0528952	0.999791
XLOC_016156	XLOC_016156	IQCG	chr3:197615945-197686886	0.0529084	0.999791
XLOC_018269	XLOC_018269	CDKN1A	chr6:36644236-36655116	0.0529611	0.999791
XLOC_009366	XLOC_009366	GEMIN4	chr17:647660-655501	0.0529927	0.999791
XLOC_022661	XLOC_022661	GPSM1	chr9:139221931-139254057	0.0529963	0.999791
XLOC_020521	XLOC_020521	TPST1	chr7:65670258-65825438	0.0529995	0.999791
XLOC_000957	XLOC_000957	NEK7	chr1:198126107-198291548	0.0529998	0.999791
XLOC_019135	XLOC_019135	KATNA1	chr6:149916010-149969940	0.0530539	0.999791
XLOC_014300	XLOC_014300	PAXBP1	chr21:34100424-34144169	0.0530733	0.999791
XLOC_006009	XLOC_006009	CDC16	chr13:115000361-115038150	0.0530939	0.999791
XLOC_017257	XLOC_017257	SLC25A46	chr5:110074753-110098484	0.0531512	0.999791
XLOC_006469	XLOC_006469	AHSA1	chr14:77924372-77935815	0.0531665	0.999791
XLOC_009915	XLOC_009915	POLG2	chr17:62473901-62493184	0.0532243	0.999791
XLOC_011154	XLOC_011154	CACNG7	chr19:54415990-54446969	0.0533168	0.999791
XLOC_001435	XLOC_001435	SMIM12	chr1:35315962-35325417	0.053423	0.999791
XLOC_009135	XLOC_009135	NPEPPS	chr17:45608443-45700642	0.0534868	0.999791
XLOC_012876	XLOC_012876	HNRPLL	chr2:38790327-38830178	0.0535515	0.999791
XLOC_018251	XLOC_018251	UHRF1BP1	chr6:34759793-34845291	0.0535534	0.999791
XLOC_011635	XLOC_011635	ZFP30	chr19:38123388-38146313	0.0535894	0.999791
XLOC_009738	XLOC_009738	DXH58	chr17:40253421-40264751	0.0536641	1
XLOC_002878	XLOC_002878	ITGB1	chr10:33189245-33247293	0.0536735	0.999791
XLOC_001878	XLOC_001878	PYGO2	chr1:154929501-154934258	0.0537028	0.999791
XLOC_009559	XLOC_009559	C17orf103	chr17:21142183-21156578	0.0537458	0.999791
XLOC_017730	XLOC_017730	CCNH	chr5:86690078-86708850	0.0537501	0.999791
XLOC_001649	XLOC_001649	ZNF644	chr1:91380856-91487812	0.0537595	0.999791
XLOC_004333	XLOC_004333	FOSL1	chr1:65659691-65667997	0.0537907	0.999791
XLOC_021302	XLOC_021302	MGC27345	chr7:127937737-127947816	0.0538174	0.999791
XLOC_016386	XLOC_016386	USO1	chr4:76649828-76735366	0.0538948	0.999791
XLOC_001522	XLOC_001522	POMGNT1	chr1:46654352-46686928	0.0540527	0.999791
XLOC_010903	XLOC_010903	ZNF575	chr19:44037339-44040284	0.0540652	0.999791
XLOC_021097	XLOC_021097	NSUN5P2	chr7:72349935-72425302	0.0540662	0.999791
XLOC_021367	XLOC_021367	FAM131B	chr7:143050492-143059840	0.0541091	0.999791
XLOC_012053	XLOC_012053	PQLC3	chr2:11295539-11318998	0.0541137	0.999791
XLOC_003603	XLOC_003603	TM7SF2,VPS51	chr11:64863586-64883707	0.0541908	0.999791
XLOC_001595	XLOC_001595	SERBP1	chr1:67873492-67896123	0.0542006	0.999791
XLOC_000199	XLOC_000199	ZNF593	chr1:26496387-26497364	0.0542052	0.999791
XLOC_021189	XLOC_021189	PDAP1	chr7:98972297-99006305	0.0542085	0.999791
XLOC_008177	XLOC_008177	HSD11B2	chr16:67465035-67471454	0.0542117	0.999791
XLOC_009566	XLOC_009566	POLDIP2	chr17:26662547-26684603	0.0542157	0.999791
XLOC_002491	XLOC_002491	KIAA1279	chr10:70748476-70776739	0.0542493	0.999791
XLOC_000062	XLOC_000062	PER3	chr1:7844762-7905237	0.0542544	1
XLOC_017724	XLOC_017724	RPS23	chr5:81569138-81574235	0.0542609	0.999791
XLOC_001455	XLOC_001455	MEAF6	chr1:37955560-37980420	0.0542631	0.999791
XLOC_021115	XLOC_021115	WBSR16	chr7:74456282-74489699	0.054264	0.999791
XLOC_023589	XLOC_023589	SLC25A5	chrX:118599995-118605359	0.0542728	0.999791
XLOC_004970	XLOC_004970	MSRB3	chr12:65672422-65806687	0.0542764	0.999791
XLOC_011459	XLOC_011459	C19orf43	chr19:12841453-12845529	0.0542986	0.999791
XLOC_002174	XLOC_002174	INTS7	chr1:212113740-212278187	0.0543261	0.999791
XLOC_004946	XLOC_004946	PIP4K2C	chr12:57984941-57997211	0.0543577	0.999791
XLOC_011342	XLOC_011342	PRR22	chr19:5782970-5784776	0.0544197	0.999791
XLOC_008153	XLOC_008153	GINS3	chr16:58426297-58440048	0.0544391	0.999791
XLOC_022597	XLOC_022597	LRRC8A	chr9:131644390-131680317	0.0544629	0.999791
XLOC_013138	XLOC_013138	POLR2D	chr2:128603839-128615729	0.0544727	0.999791
XLOC_013624	XLOC_013624	MMP24	chr20:33814538-33864804	0.0545256	0.999791
XLOC_006866	XLOC_006866	ZFYVE26	chr14:68213236-68283306	0.0545535	0.999791
XLOC_016816	XLOC_016816	HNRNPD	chr4:83274466-83295149	0.0545752	0.999791
XLOC_011674	XLOC_011674	TTC9B	chr19:40721964-40724306	0.0546009	0.999791
XLOC_014847	XLOC_014847	RANGAP1	chr22:41641614-41682216	0.0546126	0.999791
XLOC_002199	XLOC_002199	AIDA	chr1:222841354-222885864	0.0546884	0.999791
XLOC_011308	XLOC_011308	DOHD	chr19:3490818-3500938	0.0546892	0.999791
XLOC_004471	XLOC_004471	TAF1D	chr11:93469095-93474703	0.0547409	0.999791
XLOC_023584	XLOC_023584	IL13RA1	chrX:117861558-117928496	0.0547457	0.999791
XLOC_002521	XLOC_002521	ZSWIM8	chr10:75545381-75561556	0.0548599	0.999791
XLOC_012962	XLOC_012962	C2orf42	chr2:70377016-70418151	0.054878	0.999791
XLOC_015187	XLOC_015187	PPP4R2	chr3:73046118-73115011	0.0548917	0.999791
XLOC_001482	XLOC_001482	PPT1	chr1:40538381-40563142	0.0549067	0.999791
XLOC_002730	XLOC_002730	WDR11	chr10:122216465-122806858	0.054998	0.999791
XLOC_007245	XLOC_007245	USP3	chr15:63796709-63894620	0.0550664	0.999791
XLOC_009791	XLOC_009791	ARHGAP27	chr17:43506717-43510282	0.0550672	0.999791
XLOC_009099	XLOC_009099	NAGS	chr17:42082031-42086436	0.0550807	0.999791
XLOC_017154	XLOC_017154	PPWD1	chr5:64859062-64883376	0.0551003	0.999791
XLOC_008660	XLOC_008660	ZNF19	chr16:71507975-71523254	0.0552107	0.999791

XLOC_012578	XLOC_012578	SPATS2L	chr2:201170603-201346986	0.0552591	0.999791
XLOC_003346	XLOC_003346	C11orf58	chr11:16760147-16779901	0.0552722	0.999791
XLOC_015710	XLOC_015710	CCDC71	chr3:49199967-49203785	0.0553392	0.999791
XLOC_007358	XLOC_007358	GOLGA6L9	chr15:83098709-83108111	0.0553452	1
XLOC_004137	XLOC_004137	FBXO3	chr11:33762489-33796071	0.0553569	0.999791
XLOC_020650	XLOC_020650	NYAP1	chr7:100081549-100092424	0.0554237	0.999791
XLOC_022113	XLOC_022113	STK3	chr8:99466858-99954799	0.0554583	0.999791
XLOC_010103	XLOC_010103	LINC00667	chr18:5238098-5246505	0.0554672	0.999791
XLOC_012243	XLOC_012243	ALMS1P	chr2:73872045-73912694	0.0554727	1
XLOC_019033	XLOC_019033	AKD1	chr6:109814058-110012415	0.0555449	0.999791
XLOC_020886	XLOC_020886	DNAJB6	chr7:157129709-157210133	0.055547	0.999791
XLOC_010668	XLOC_010668	SIN3B	chr19:16940208-16991164	0.055556	0.999791
XLOC_002029	XLOC_002029	CENPL	chr1:173768687-173793777	0.0555785	0.999791
XLOC_016797	XLOC_016797	G3BP2	chr4:76567952-76598667	0.0555992	0.999791
XLOC_014024	XLOC_014024	TMEM189, TMEM189-UBE2V1, UE	chr20:48697660-48770335	0.0556173	0.999791
XLOC_023121	XLOC_023121	UCK1	chr9:134378288-134406662	0.0556188	0.999791
XLOC_005322	XLOC_005322	GPR19	chr12:12813994-12849121	0.0556256	1
XLOC_015843	XLOC_015843	FILIP1L	chr3:99273152-99897476	0.0556417	0.999791
XLOC_020458	XLOC_020458	MRPL32	chr7:42971938-42977453	0.0557044	0.999791
XLOC_022064	XLOC_022064	ZFAND1	chr8:82613565-82633539	0.0557434	0.999791
XLOC_003215	XLOC_003215	RIC8A	chr11:208529-236362	0.0557842	0.999791
XLOC_008402	XLOC_008402	ROGD1	chr16:4846962-4852951	0.055807	0.999791
XLOC_016040	XLOC_016040	B3GALNT1	chr3:160801670-160823160	0.0558474	0.999791
XLOC_021632	XLOC_021632	TERF1	chr8:73921096-73959987	0.055853	0.999791
XLOC_022351	XLOC_022351	GRHPR	chr9:37422706-37436986	0.0558641	0.999791
XLOC_005969	XLOC_005969	TM9SF2	chr13:100153627-100216302	0.0558752	0.999791
XLOC_000966	XLOC_000966	NAV1	chr1:201617449-201796102	0.0559022	0.999791
XLOC_013220	XLOC_013220	CERS6-AS1	chr2:169312758-169642939	0.0559455	0.999791
XLOC_013464	XLOC_013464	HDLBP	chr2:242166681-242293441	0.0559879	0.999791
XLOC_005043	XLOC_005043	TMPO	chr12:98906750-98944157	0.0559987	0.999791
XLOC_001511	XLOC_001511	HECTD3	chr1:45468219-45477027	0.0560249	0.999791
XLOC_022129	XLOC_022129	AZIN1	chr8:103838535-103876397	0.0560886	0.999791
XLOC_001021	XLOC_001021	CD46	chr1:207925382-207968861	0.0561801	0.999791
XLOC_018416	XLOC_018416	MANEA	chr6:96025372-96057328	0.0562011	0.999791
XLOC_021454	XLOC_021454	ERI1	chr8:8860313-8890849	0.0562309	0.999791
XLOC_000393	XLOC_000393	ZFYVE9	chr1:52608045-52812358	0.0563214	0.999791
XLOC_017688	XLOC_017688	NAIP	chr5:70264309-70320941	0.0564242	0.999791
XLOC_009733	XLOC_009733	NT5C3B	chr17:39981333-39992523	0.0564412	0.999791
XLOC_022132	XLOC_022132	SLC25A32	chr8:104410865-104455680	0.0564696	0.999791
XLOC_007659	XLOC_007659	ANP32A	chr15:69070874-69113261	0.0565241	0.999791
XLOC_018025	XLOC_018025	WRNIP1	chr6:2765665-2785979	0.0565374	0.999791
XLOC_012223	XLOC_012223	ANXA4	chr2:69969126-70053596	0.0565754	0.999791
XLOC_017731	XLOC_017731	TMEM161B	chr5:87491022-87564665	0.056587	0.999791
XLOC_022535	XLOC_022535	MRRF	chr9:125001833-125085742	0.0565945	0.999791
XLOC_020350	XLOC_020350	AP5Z1	chr7:4815261-4834026	0.0566977	0.999791
XLOC_010722	XLOC_010722	ZNF486	chr19:20278022-20311299	0.0567559	0.999791
XLOC_008391	XLOC_008391	ADCY9	chr16:4012649-4166186	0.056866	0.999791
XLOC_013014	XLOC_013014	LOC100630918	chr2:85764589-85766009	0.0569538	0.999791
XLOC_017109	XLOC_017109	WDR70	chr5:37379411-37752774	0.0569643	0.999791
XLOC_011449	XLOC_011449	ZNF443	chr19:12540519-12551926	0.0570081	0.999791
XLOC_006664	XLOC_006664	TEX22	chr14:105864919-105880196	0.0570297	1
XLOC_009142	XLOC_009142	CDK5RAP3	chr17:46048428-46059147	0.0571456	0.999791
XLOC_022006	XLOC_022006	NSMAF	chr8:59496063-59572404	0.0571578	0.999791
XLOC_011993	XLOC_011993	ZNF416	chr19:58082933-58090243	0.057162	0.999791
XLOC_015982	XLOC_015982	TFDP2	chr3:141663269-141868386	0.0571676	0.999791
XLOC_023553	XLOC_023553	PRPS1	chrX:106871653-106894256	0.0571826	0.999791
XLOC_000645	XLOC_000645	RNF115	chr1:145611035-145688776	0.0571896	0.999791
XLOC_016082	XLOC_016082	MCF2L2	chr3:182895830-183145855	0.0572057	1
XLOC_011440	XLOC_011440	ACP5	chr19:11685474-11689801	0.0572314	1
XLOC_002271	XLOC_002271	FH	chr1:241660856-241683085	0.0572326	0.999791
XLOC_000163	XLOC_000163	LINC00339	chr1:22351706-22357715	0.0572403	0.999791
XLOC_003581	XLOC_003581	STIP1	chr1:63953586-63972020	0.0573509	0.999791
XLOC_001888	XLOC_001888	FAM189B	chr1:155216995-155225274	0.0573766	0.999791
XLOC_002149	XLOC_002149	RAB7L1	chr1:205737113-205744610	0.0573913	0.999791
XLOC_018942	XLOC_018942	GUSBP4	chr6:58246158-58287724	0.057439	0.999791
XLOC_000067	XLOC_000067	H6PD	chr1:9294862-9331394	0.0574517	0.999791
XLOC_004161	XLOC_004161	HARBI1	chr11:46624855-46638777	0.0574549	0.999791
XLOC_008746	XLOC_008746	TIMM22	chr17:900356-905390	0.0575076	0.999791
XLOC_005108	XLOC_005108	ERP29	chr12:112451151-112461024	0.0575187	0.999791
XLOC_002785	XLOC_002785	LARP4B	chr10:852853-977645	0.0575868	0.999791
XLOC_014140	XLOC_014140	EVA1C	chr21:33784751-33887697	0.0575944	0.999791
XLOC_006116	XLOC_006116	SUCLA2	chr13:48516790-48575462	0.057611	0.999791
XLOC_023901	XLOC_023901	LOC92249	chrX:62646438-62780873	0.0576911	0.999791
XLOC_023370	XLOC_023370	WDR13	chrX:48455879-48463582	0.0576984	0.999791
XLOC_014007	XLOC_014007	SLC35C2	chr20:44978176-44993064	0.0577168	0.999791
XLOC_014708	XLOC_014708	PRAME	chr22:22890122-22901696	0.0577485	0.999791
XLOC_007560	XLOC_007560	SHF	chr15:45459411-45493373	0.0577705	0.999791
XLOC_001231	XLOC_001231	CEP104	chr1:3728644-3773797	0.0577933	0.999791
XLOC_005639	XLOC_005639	LTA4H	chr12:96394530-96437298	0.0578144	0.999791

XLOC_015627	XLOC_015627	CLASP2	chr3:33537738-33759705	0.0578439	0.999791
XLOC_016700	XLOC_016700	SEPSECS	chr4:25121626-25162204	0.057903	0.999791
XLOC_016961	XLOC_016961	PET112	chr4:152591808-152682175	0.057962	0.999791
XLOC_015537	XLOC_015537	SENP5	chr3:196594726-196661584	0.0580293	0.999791
XLOC_004974	XLOC_004974	CAND1	chr12:67663060-67708388	0.0580297	0.999791
XLOC_014416	XLOC_014416	RANBP1	chr22:20105023-20114704	0.0580627	0.999791
XLOC_004870	XLOC_004870	C12orf10	chr12:53693469-53700965	0.058069	0.999791
XLOC_007496	XLOC_007496	AQR	chr15:35148551-35261995	0.0580856	0.999791
XLOC_003495	XLOC_003495	CLP1	chr11:57425215-57429337	0.0581147	0.999791
XLOC_004769	XLOC_004769	GOLT1B	chr12:21654698-21671337	0.0581456	0.999791
XLOC_017539	XLOC_017539	TRIM41	chr5:180650262-180662808	0.0581515	0.999791
XLOC_018054	XLOC_018054	SMIM13	chr6:11094265-11138969	0.0581643	0.999791
XLOC_006047	XLOC_006047	CDX2	chr13:28536204-28543505	0.0582017	0.999791
XLOC_003091	XLOC_003091	CHUK	chr10:101948123-101989344	0.0582158	0.999791
XLOC_014779	XLOC_014779	PRR14L	chr22:32077333-32146120	0.0582677	0.999791
XLOC_024190	XLOC_024190	FLNA	chrX:153576899-153603006	0.0583113	0.999791
XLOC_011411	XLOC_011411	EIF3G	chr19:10216898-10230599	0.0583439	0.999791
XLOC_008042	XLOC_008042	TAKO2	chr16:29985187-30003582	0.0583605	0.999791
XLOC_010473	XLOC_010473	ZNF555	chr19:2841432-2860472	0.0583829	0.999791
XLOC_011321	XLOC_011321	ZBTB7A	chr19:4045215-4066816	0.0584015	0.999791
XLOC_002113	XLOC_002113	PTPN7	chr1:202116140-202130716	0.0584223	0.999791
XLOC_000402	XLOC_000402	LOC100507564	chr1:53692563-53793821	0.0584434	1
XLOC_010245	XLOC_010245	TIMM21	chr18:71815745-71826204	0.0584521	0.999791
XLOC_011244	XLOC_011244	ZSCAN22	chr19:58838384-58853712	0.0584588	0.999791
XLOC_006366	XLOC_006366	KTN1	chr14:56046924-56151302	0.0585126	0.999791
XLOC_012904	XLOC_012904	CALM2	chr2:47387220-47403740	0.0585175	0.999791
XLOC_020471	XLOC_020471	ZMIZ2	chr7:44788529-44809479	0.0585205	0.999791
XLOC_006028	XLOC_006028	EFHA1	chr13:22066827-22178355	0.0585561	0.999791
XLOC_023850	XLOC_023850	TFE3	chrX:48886241-48900990	0.0586057	0.999791
XLOC_012012	XLOC_012012	ZBTB45	chr19:59024896-59030921	0.0586347	0.999791
XLOC_023762	XLOC_023762	GEMIN8	chrX:14024844-14048035	0.0586439	0.999791
XLOC_014941	XLOC_014941	FANCD2	chr3:10068112-10149915	0.0586501	0.999791
XLOC_021388	XLOC_021388	ZNF767	chr7:149244244-149321881	0.0588222	0.999791
XLOC_004305	XLOC_004305	SF1	chr1:164532075-64546316	0.0588733	0.999791
XLOC_023534	XLOC_023534	TCEAL4	chrX:102840418-102842655	0.0589185	0.999791
XLOC_008644	XLOC_008644	TERF2	chr16:69389463-69419891	0.0589572	0.999791
XLOC_002731	XLOC_002731	TACC2	chr10:123748688-124014057	0.0589723	0.999791
XLOC_022220	XLOC_022220	EEF1D	chr8:144661866-144679845	0.0589894	0.999791
XLOC_013073	XLOC_013073	TBC1D8	chr2:101618690-101767846	0.0590165	0.999791
XLOC_003149	XLOC_003149	HSPA12A	chr10:118430702-118502085	0.0590281	0.999791
XLOC_005415	XLOC_005415	KANSL2	chr12:49046994-49076035	0.0590497	0.999791
XLOC_024073	XLOC_024073	ENOX2	chrX:129757356-130037208	0.0590669	0.999791
XLOC_018244	XLOC_018244	SYNGAP1	chr6:33387846-33421466	0.0591733	0.999791
XLOC_010773	XLOC_010773	GRAMD1A	chr19:35491245-35517373	0.0591933	0.999791
XLOC_023078	XLOC_023078	RPL12	chr9:130209952-130213711	0.0592311	0.999791
XLOC_017326	XLOC_017326	CAMLG	chr5:134074169-134087850	0.0592667	0.999791
XLOC_005870	XLOC_005870	DGKH	chr13:42614171-42803891	0.0592845	1
XLOC_019013	XLOC_019013	ASCC3	chr6:100956607-101329224	0.0592877	0.999791
XLOC_023595	XLOC_023595	ZBTB33	chrX:119384606-119392251	0.0594109	0.999791
XLOC_021815	XLOC_021815	ERIC1H	chr8:614199-681226	0.0594165	0.999791
XLOC_004565	XLOC_004565	BCL9L	chr11:118754474-118781613	0.0594396	0.999791
XLOC_006372	XLOC_006372	NAA30	chr14:57857270-57879466	0.0594738	0.999791
XLOC_003234	XLOC_003234	PNPLA2	chr11:818900-825571	0.0594911	0.999791
XLOC_010290	XLOC_010290	AFG3L2	chr18:12328942-12377275	0.0594977	0.999791
XLOC_003135	XLOC_003135	LOC282997	chr10:112628647-112630662	0.0595392	0.999791
XLOC_000016	XLOC_000016	B3GALT6	chr1:1167628-1170420	0.059573	0.999791
XLOC_008650	XLOC_008650	EXOSC6	chr16:70284133-70285833	0.0595996	0.999791
XLOC_012686	XLOC_012686	FBXO36	chr2:230787206-230877825	0.0596037	0.999791
XLOC_013823	XLOC_013823	IDH3B	chr20:2639040-2644865	0.059628	0.999791
XLOC_017735	XLOC_017735	CETN3	chr5:89689528-89705603	0.0596719	0.999791
XLOC_003800	XLOC_003800	ACAT1	chr11:107992257-108018891	0.0596868	0.999791
XLOC_009229	XLOC_009229	PSMC5	chr17:61896792-61909387	0.0596933	0.999791
XLOC_017462	XLOC_017462	HMMR	chr5:162887516-162918953	0.0597006	0.999791
XLOC_017155	XLOC_017155	TRAPPC13	chr5:64920557-65017941	0.0597505	0.999791
XLOC_005424	XLOC_005424	FKBP11	chr12:49315741-49319330	0.0597636	0.999791
XLOC_012901	XLOC_012901	PIGF	chr2:46769866-46844251	0.0597692	0.999791
XLOC_005489	XLOC_005489	MAP3K12	chr12:53845885-53893444	0.0598185	0.999791
XLOC_011613	XLOC_011613	SYNE4	chr19:36494001-36499672	0.0598207	1
XLOC_013147	XLOC_013147	SMPD4	chr2:130908964-130948300	0.0598455	0.999791
XLOC_008224	XLOC_008224	DHODH	chr16:72042642-72059316	0.0599349	0.999791
XLOC_022085	XLOC_022085	LOC100127983	chr8:91803920-91997485	0.0599412	1
XLOC_013384	XLOC_013384	OBSL1	chr2:220415449-220436268	0.0599995	0.999791
XLOC_001555	XLOC_001555	LRP8	chr1:53692563-53793821	0.0600004	0.999791
XLOC_023301	XLOC_023301	ZFX	chrX:24164341-24234372	0.0600409	0.999791
XLOC_015014	XLOC_015014	ITGA9	chr3:37493812-37861281	0.0600619	1
XLOC_001462	XLOC_001462	YRDC	chr1:38268613-38275126	0.0601944	0.999791
XLOC_017817	XLOC_017817	H2AFY	chr5:134670070-134735577	0.0602223	0.999791
XLOC_017874	XLOC_017874	YIPF5	chr5:143537722-143550278	0.0602375	0.999791
XLOC_020892	XLOC_020892	PRKAR1B	chr7:588833-826116	0.0602974	0.999791

XLOC_011313	XLOC_011313	APBA3	chr19:3708334-3761673	0.0603319	0.999791
XLOC_009148	XLOC_009148	ATP5G1	chr17:46970147-46973232	0.0603375	0.999791
XLOC_001266	XLOC_001266	FBXO2	chr1:11708417-11723384	0.0604653	0.999791
XLOC_008138	XLOC_008138	ARL2BP	chr16:57279037-57287545	0.0604813	0.999791
XLOC_013221	XLOC_013221	SPC25	chr2:169727400-169746944	0.0604835	0.999791
XLOC_001446	XLOC_001446	TRAPPC3	chr1:36602169-36621654	0.0604981	0.999791
XLOC_022349	XLOC_022349	LOC100506710	chr9:37079892-37090398	0.0605037	0.999791
XLOC_015321	XLOC_015321	RAB7A	chr3:128444978-128533641	0.0605437	0.999791
XLOC_016247	XLOC_016247	CC2D2A	chr4:15471488-15603180	0.0605481	0.999791
XLOC_010057	XLOC_010057	CSNK1D	chr17:80200536-80231594	0.0605489	0.999791
XLOC_018884	XLOC_018884	DNPH1	chr6:43193366-43197211	0.0607196	0.999791
XLOC_004986	XLOC_004986	RAB31P	chr12:70132630-70216984	0.0607261	0.999791
XLOC_013125	XLOC_013125	TMEM185B	chr2:120975046-120980984	0.0607465	0.999791
XLOC_006389	XLOC_006389	HIF1A	chr14:62162118-62215807	0.0607539	0.999791
XLOC_009079	XLOC_009079	WNK4	chr17:40932648-40949084	0.0607613	0.999791
XLOC_002265	XLOC_002265	HEATR1	chr1:236681513-236767841	0.0607724	0.999791
XLOC_000737	XLOC_000737	UBAP2L	chr1:154179182-154243329	0.0607746	0.999791
XLOC_002490	XLOC_002490	DDX21	chr10:70715878-70744825	0.0608037	0.999791
XLOC_014897	XLOC_014897	BRD1	chr22:50166936-50218452	0.0608345	0.999791
XLOC_022882	XLOC_022882	FAM108B1	chr9:74477367-74526148	0.0608497	0.999791
XLOC_009078	XLOC_009078	VPS25	chr17:40925453-40931617	0.0609262	0.999791
XLOC_014518	XLOC_014518	YWHAH	chr22:32329506-32353950	0.0609365	0.999791
XLOC_000024	XLOC_000024	ATAD3C	chr1:1385068-1405538	0.0609402	1
XLOC_024182	XLOC_024182	NAA10	chrX:153195279-153200607	0.0609556	0.999791
XLOC_000145	XLOC_000145	MRT04	chr1:19578074-19586622	0.0609746	0.999791
XLOC_017336	XLOC_017336	SMAD5	chr5:135465202-135518422	0.0609777	0.999791
XLOC_012729	XLOC_012729	LRRFIP1	chr2:238536223-238690290	0.0611792	0.999791
XLOC_001393	XLOC_001393	DNAJC8	chr1:28526789-28559542	0.0611873	0.999791
XLOC_007704	XLOC_007704	FBXO22-AS1	chr15:76196199-76227608	0.0611959	0.999791
XLOC_023342	XLOC_023342	KRBOX4	chrX:46306623-46334074	0.0611998	0.999791
XLOC_023058	XLOC_023058	PDCL	chr9:125580375-125590935	0.061237	0.999791
XLOC_016498	XLOC_016498	INTU	chr4:128554086-128637934	0.0612789	0.999791
XLOC_004512	XLOC_004512	SLC35F2	chr11:107661716-107729914	0.0612988	0.999791
XLOC_022044	XLOC_022044	RPL7	chr8:74202873-74205869	0.0613817	0.999791
XLOC_009526	XLOC_009526	PLD6	chr17:17104308-17109646	0.0613901	0.999791
XLOC_012245	XLOC_012245	STAMBP	chr2:74056042-74094295	0.0614344	0.999791
XLOC_009176	XLOC_009176	UTP18	chr17:49337896-49375292	0.0614896	0.999791
XLOC_009786	XLOC_009786	DCAKD	chr17:43100705-43138473	0.0616009	0.999791
XLOC_015897	XLOC_015897	POLQ	chr3:121150272-121264853	0.0617089	0.999791
XLOC_012984	XLOC_012984	DUSP11	chr2:73989324-74007284	0.0617294	0.999791
XLOC_000892	XLOC_000892	GAS5-AS1	chr1:173832385-173837125	0.0617415	0.999791
XLOC_000007	XLOC_000007	KLHL17	chr1:895966-901099	0.0617799	0.999791
XLOC_014771	XLOC_014771	MORC2	chr22:31318294-31364187	0.0618225	0.999791
XLOC_010641	XLOC_010641	ZNF333	chr19:14800869-14831772	0.0618962	0.999791
XLOC_013767	XLOC_013767	OGFR	chr20:61436176-61445352	0.0619181	0.999791
XLOC_022411	XLOC_022411	RM1I	chr9:86595636-86618987	0.0619335	0.999791
XLOC_015950	XLOC_015950	ASTE1	chr3:130569368-130745646	0.0619886	0.999791
XLOC_000248	XLOC_000248	KHDRBS1	chr1:32479294-32526460	0.0621445	0.999791
XLOC_017909	XLOC_017909	ATOX1	chr5:151122382-151138210	0.0621802	0.999791
XLOC_010330	XLOC_010330	ZNF24	chr18:32912177-32924426	0.062195	0.999791
XLOC_008120	XLOC_008120	MT1E	chr16:56659584-56661024	0.0622304	0.999791
XLOC_012814	XLOC_012814	ATAD2B	chr2:23971533-24149936	0.0622508	0.999791
XLOC_002189	XLOC_002189	BPNT1	chr1:220046618-220321383	0.0622581	0.999791
XLOC_004130	XLOC_004130	IMMP1L	chr11:31391376-31531169	0.0623131	0.999791
XLOC_007635	XLOC_007635	CLPX	chr15:65442783-65477563	0.062335	0.999791
XLOC_011439	XLOC_011439	ELOF1	chr19:11663857-11670051	0.0623364	0.999791
XLOC_011576	XLOC_011576	ZNF681	chr19:23921996-23941693	0.0623941	0.999791
XLOC_011035	XLOC_011035	PRMT1	chr19:50180408-50191707	0.0624101	0.999791
XLOC_010026	XLOC_010026	AZI1	chr17:79163392-79196751	0.0624672	0.999791
XLOC_018245	XLOC_018245	ZBTB9	chr6:33422355-33425320	0.0625857	0.999791
XLOC_002663	XLOC_002663	NFKB2	chr10:104153866-104162286	0.0625904	0.999791
XLOC_010700	XLOC_010700	SSBP4	chr19:18530145-18549111	0.0626605	0.999791
XLOC_017642	XLOC_017642	PAIP1	chr5:43526369-43557521	0.0626778	0.999791
XLOC_005533	XLOC_005533	NACA	chr12:57106210-57119326	0.0627302	0.999791
XLOC_019078	XLOC_019078	MED23	chr6:131894343-131949379	0.0627678	0.999791
XLOC_021717	XLOC_021717	EBAG9	chr8:110551928-110577391	0.0627845	0.999791
XLOC_021679	XLOC_021679	INTS8	chr8:95835517-95907482	0.0627982	0.999791
XLOC_014044	XLOC_014044	MTRNR2L3	chr20:55904830-55998278	0.0628005	1
XLOC_023107	XLOC_023107	DOLK	chr9:131707808-131769375	0.0628141	0.999791
XLOC_023928	XLOC_023928	ERCC6L	chrX:71401525-71483814	0.0628641	0.999791
XLOC_017435	XLOC_017435	MFAP3	chr5:153418518-153437014	0.0629359	0.999791
XLOC_003380	XLOC_003380	ARL14EP	chr11:30344648-30359165	0.0629403	0.999791
XLOC_004307	XLOC_004307	MEN1	chr11:64570985-64578766	0.0629579	0.999791
XLOC_007677	XLOC_007677	NPTN	chr15:73735498-73925753	0.0629632	0.999791
XLOC_023351	XLOC_023351	USP11	chrX:47092313-47107727	0.0629658	0.999791
XLOC_012933	XLOC_012933	FAM161A	chr2:62051982-62081278	0.0629775	0.999791
XLOC_004662	XLOC_004662	DYRK4	chr12:4699243-4723041	0.0629949	0.999791
XLOC_022161	XLOC_022161	ATAD2	chr8:124332090-124408705	0.0630022	0.999791
XLOC_007333	XLOC_007333	PSMA4	chr15:78832746-78841563	0.0630053	0.999791

XLOC_015564	XLOC_015564	PRRT3	chr3:9987225-9996471	0.0630258	0.999791
XLOC_010143	XLOC_010143	MIB1	chr18:19321544-19450912	0.0630372	0.999791
XLOC_024177	XLOC_024177	BCAP31	chrX:152965946-152990201	0.063121	0.999791
XLOC_018445	XLOC_018445	AMD1	chr6:111195986-111216913	0.0631415	0.999791
XLOC_021790	XLOC_021790	GPA1	chr8:145137523-145141119	0.0631705	0.999791
XLOC_017711	XLOC_017711	ARSB	chr5:78073036-78282357	0.0631785	0.999791
XLOC_002933	XLOC_002933	PARG	chr10:51026324-51371331	0.0633341	0.999791
XLOC_014813	XLOC_014813	ANKRD54	chr22:38226861-38240378	0.0633718	0.999791
XLOC_010036	XLOC_010036	NPLOC4	chr17:79523912-79604138	0.0633826	0.999791
XLOC_008428	XLOC_008428	CPPED1	chr16:12753655-12897744	0.063428	0.999791
XLOC_017633	XLOC_017633	OXCT1	chr5:41730166-41870791	0.0634339	0.999791
XLOC_023202	XLOC_023202	WDR85	chr9:140449360-140473387	0.0634529	0.999791
XLOC_016457	XLOC_016457	CYP2U1	chr4:108852716-108874613	0.0634648	0.999791
XLOC_004349	XLOC_004349	SPTBN2	chr11:66452719-66488870	0.0634976	0.999791
XLOC_004380	XLOC_004380	SHANK2	chr11:70313960-70935808	0.0635342	0.999791
XLOC_013887	XLOC_013887	NAPB	chr20:23355155-23402156	0.0636143	0.999791
XLOC_013168	XLOC_013168	MCM6	chr2:136597195-136634047	0.0636507	0.999791
XLOC_017359	XLOC_017359	TMCO6	chr5:140019011-140027370	0.0637275	0.999791
XLOC_002680	XLOC_002680	SLK	chr10:105727469-105787342	0.0637506	0.999791
XLOC_008513	XLOC_008513	LOC440354,LOC595101	chr16:30278913-30346695	0.063826	0.999791
XLOC_018036	XLOC_018036	FARS2	chr6:5261583-5771816	0.0638746	0.999791
XLOC_010324	XLOC_010324	TRAPPC8	chr18:29409135-29523091	0.0639232	0.999791
XLOC_003069	XLOC_003069	TM9SF3	chr10:98277866-98346809	0.0639449	0.999791
XLOC_002208	XLOC_002208	LBR	chr1:225589203-225616557	0.0639508	0.999791
XLOC_004323	XLOC_004323	LTBP3	chr11:65292547-65325699	0.0639568	0.999791
XLOC_010335	XLOC_010335	SLC39A6	chr18:33688493-33709357	0.0639833	0.999791
XLOC_018255	XLOC_018255	DEF6	chr6:35265594-35289548	0.0640554	0.999791
XLOC_009367	XLOC_009367	GLOD4	chr17:6625468-695741	0.0640863	0.999791
XLOC_010052	XLOC_010052	DCXR	chr17:79993756-79995573	0.0640927	0.999791
XLOC_001895	XLOC_001895	GON4L	chr1:155715558-155826972	0.0641426	0.999791
XLOC_021756	XLOC_021756	PHF20L1	chr8:133787603-133861052	0.0642008	0.999791
XLOC_005205	XLOC_005205	PGAM5	chr12:133287392-133299323	0.0642217	0.999791
XLOC_006492	XLOC_006492	CP5F2	chr14:92588297-92630543	0.064395	0.999791
XLOC_002202	XLOC_002202	CAPN8	chr1:223714971-223853436	0.0643966	1
XLOC_017679	XLOC_017679	SGTB	chr5:64920557-65017941	0.0644207	0.999791
XLOC_007319	XLOC_007319	FBXO22	chr15:76196199-76227608	0.0644695	0.999791
XLOC_009833	XLOC_009833	PHB	chr17:47481419-47492242	0.0645155	0.999791
XLOC_023133	XLOC_023133	SURF6	chr9:136197551-136203047	0.0645248	0.999791
XLOC_021684	XLOC_021684	PTDSS1	chr8:97274166-97346774	0.0645381	0.999791
XLOC_016435	XLOC_016435	PDLIM5	chr4:95373007-95589378	0.0645477	0.999791
XLOC_010920	XLOC_010920	ZNF233	chr19:44764032-44779470	0.0645889	0.999791
XLOC_016493	XLOC_016493	SPATA5	chr4:123844224-124240604	0.0646204	0.999791
XLOC_018779	XLOC_018779	NELFE	chr6:31919863-31937532	0.0646411	0.999791
XLOC_007264	XLOC_007264	IQCH	chr15:67493012-67819641	0.0646719	0.999791
XLOC_008854	XLOC_008854	ADPRM	chr17:10600926-10614875	0.0647037	0.999791
XLOC_010917	XLOC_010917	ZNF234	chr19:44645709-44664462	0.0647084	0.999791
XLOC_012971	XLOC_012971	TEX261	chr2:71213067-71222001	0.0647161	0.999791
XLOC_006482	XLOC_006482	TTC8	chr14:89290977-89344335	0.0647604	0.999791
XLOC_020638	XLOC_020638	ZSCAN21	chr7:99647416-99679371	0.0647753	0.999791
XLOC_003113	XLOC_003113	CUEDC2	chr10:104183001-104192423	0.0648018	0.999791
XLOC_022012	XLOC_022012	TTPA	chr8:63972047-63998612	0.0648225	1
XLOC_023348	XLOC_023348	RBM10	chrX:47004616-47046214	0.0648628	0.999791
XLOC_006449	XLOC_006449	YLPM1	chr14:75230068-75304013	0.06491	0.999791
XLOC_003673	XLOC_003673	GAL	chr11:68451982-68458643	0.064916	0.999791
XLOC_017810	XLOC_017810	SKP1	chr5:133492081-133512724	0.0649412	0.999791
XLOC_000994	XLOC_000994	SOX13	chr1:204042245-204096871	0.0650156	0.999791
XLOC_021497	XLOC_021497	FAM160B2	chr8:21946713-21961891	0.0650206	0.999791
XLOC_017415	XLOC_017415	GRPEL2	chr5:148724976-148734146	0.0650366	0.999791
XLOC_017290	XLOC_017290	CSNK1G3	chr5:122847792-122952738	0.0650805	0.999791
XLOC_004266	XLOC_004266	INTS5	chr11:62414319-62420774	0.0651431	0.999791
XLOC_002634	XLOC_002634	CNNM1	chr10:101088855-101154087	0.0651519	1
XLOC_000232	XLOC_000232	RCC1	chr1:28832454-28865708	0.0651675	0.999791
XLOC_001344	XLOC_001344	LUZP1	chr1:23410515-23495351	0.0651703	0.999791
XLOC_021109	XLOC_021109	ABHD11	chr7:73150424-73153190	0.0651924	0.999791
XLOC_010676	XLOC_010676	DDA1	chr19:17420336-17445638	0.0652006	0.999791
XLOC_002217	XLOC_002217	PARP1	chr1:226548391-226595801	0.0652477	0.999791
XLOC_014701	XLOC_014701	YDJC	chr22:21982377-21984340	0.0653023	0.999791
XLOC_009754	XLOC_009754	BECN1	chr17:40950853-40976310	0.0653286	0.999791
XLOC_004890	XLOC_004890	COPZ1	chr12:54718873-54745635	0.0653321	0.999791
XLOC_021272	XLOC_021272	LOC401397	chr7:112756772-112758637	0.0653425	0.999791
XLOC_003156	XLOC_003156	FAM204A	chr10:120068571-120101839	0.0654377	0.999791
XLOC_017482	XLOC_017482	NEURL1B	chr5:172068275-172118533	0.0654767	0.999791
XLOC_018131	XLOC_018131	HIST1H4J	chr6:27791902-27792258	0.0654886	0.999791
XLOC_002882	XLOC_002882	CUL2	chr10:35297478-35379570	0.0655379	0.999791
XLOC_004785	XLOC_004785	MRPS35	chr12:27863705-27909237	0.065542	0.999791
XLOC_007133	XLOC_007133	SPRED1	chr15:38545051-38649450	0.0655453	0.999791
XLOC_024098	XLOC_024098	MOSPD1	chrX:134021661-134049297	0.065606	0.999791
XLOC_018890	XLOC_018890	XPO5	chr6:43490067-43543812	0.0656296	0.999791
XLOC_000009	XLOC_000009	ISG15	chr1:948846-949919	0.0656987	0.999791

XLOC_013315	XLOC_013315	SUMO1	chr2:203070902-203103322	0.0657086	0.999791
XLOC_005484	XLOC_005484	CSAD	chr12:53551446-53584654	0.0657387	0.999791
XLOC_016995	XLOC_016995	SH3RF1	chr4:170015406-170192249	0.0657406	0.999791
XLOC_006803	XLOC_006803	MAP4K5	chr14:50885210-50999376	0.0657493	0.999791
XLOC_021957	XLOC_021957	RAB11FIP1	chr8:37716464-37757015	0.0658421	0.999791
XLOC_002181	XLOC_002181	PTPN14	chr1:214522038-214725024	0.0658428	0.999791
XLOC_000575	XLOC_000575	AHCYL1	chr1:110527386-110566364	0.0659923	0.999791
XLOC_014584	XLOC_014584	EP300	chr22:41488613-41576081	0.0660332	0.999791
XLOC_004764	XLOC_004764	SLCO1B3	chr12:20963637-21069843	0.0660539	0.999791
XLOC_001542	XLOC_001542	TTC39A	chr1:51752929-51810785	0.0660958	0.999791
XLOC_009589	XLOC_009589	NUFIP2	chr17:27582853-27621166	0.0661193	0.999791
XLOC_005750	XLOC_005750	ANAPC5	chr12:121746047-121792012	0.0661764	0.999791
XLOC_012737	XLOC_012737	ASB1	chr2:239335625-239360891	0.0661913	0.999791
XLOC_005045	XLOC_005045	SNORA53	chr12:98987402-98995778	0.0662012	0.999791
XLOC_002991	XLOC_002991	ECD	chr10:74894281-74927853	0.0662144	0.999791
XLOC_001197	XLOC_001197	ACAP3	chr1:1227763-1243269	0.0662175	0.999791
XLOC_015919	XLOC_015919	SNX4	chr3:125165487-125239058	0.0662224	0.999791
XLOC_011030	XLOC_011030	RCN3	chr19:50030874-50046890	0.0662467	0.999791
XLOC_005430	XLOC_005430	RHEBL1	chr12:49458467-49463775	0.0662478	0.999791
XLOC_004303	XLOC_004303	RASGRP2	chr11:64494382-64512928	0.0663091	0.999791
XLOC_023184	XLOC_023184	NPDC1	chr9:139933908-139940676	0.0663095	0.999791
XLOC_014672	XLOC_014672	DGCR14	chr22:19117791-19132190	0.0663184	0.999791
XLOC_006898	XLOC_006898	MLH3	chr14:75480466-75518235	0.0663392	0.999791
XLOC_013822	XLOC_013822	ZNF343	chr20:2462466-2489778	0.0663404	0.999791
XLOC_017156	XLOC_017156	NLN	chr5:65018022-65125111	0.0663651	0.999791
XLOC_017656	XLOC_017656	MCIN	chr5:54515424-54523143	0.0664022	0.999791
XLOC_020375	XLOC_020375	TMEM106B	chr7:12250847-12276890	0.0664259	0.999791
XLOC_010723	XLOC_010723	ZNF85	chr19:21106058-21133503	0.0664722	0.999791
XLOC_012976	XLOC_012976	SFXN5	chr2:73169164-73298965	0.0664792	0.999791
XLOC_016917	XLOC_016917	ANXA5	chr4:122589151-122618147	0.0664833	0.999791
XLOC_010811	XLOC_010811	ZNF146	chr19:36673186-36729675	0.0664859	0.999791
XLOC_017212	XLOC_017212	THBS4	chr5:79331169-79379107	0.0665063	1
XLOC_013312	XLOC_013312	TMEM237	chr2:202484906-202508252	0.0665375	0.999791
XLOC_012434	XLOC_012434	PLEKHB2	chr2:131862419-131907425	0.0665656	0.999791
XLOC_000868	XLOC_000868	BLZF1	chr1:169337193-169396670	0.0665899	0.999791
XLOC_023501	XLOC_023501	ZNF711	chrX:84498996-84528368	0.0666078	0.999791
XLOC_017935	XLOC_017935	SLU7	chr5:159828647-159846168	0.0666665	0.999791
XLOC_002488	XLOC_002488	STOX1	chr10:70587293-70655209	0.0666785	0.999791
XLOC_002891	XLOC_002891	ZNF33B	chr10:43084554-43133992	0.0667157	0.999791
XLOC_023479	XLOC_023479	TSIX	chrX:73012039-73072588	0.0667896	1
XLOC_006915	XLOC_006915	ALKBH1	chr14:78138748-78174356	0.0668321	0.999791
XLOC_015967	XLOC_015967	DZIP1L	chr3:137780826-137834451	0.0668376	0.999791
XLOC_014298	XLOC_014298	C21orf59	chr21:33973983-33984918	0.0668552	0.999791
XLOC_017626	XLOC_017626	PRKAA1	chr5:40759480-40798297	0.0668991	0.999791
XLOC_023003	XLOC_023003	TXN	chr9:113006091-113018920	0.0669098	0.999791
XLOC_015223	XLOC_015223	TBC1D23	chr3:99979660-100044096	0.0669101	0.999791
XLOC_005537	XLOC_005537	ZBTB39	chr12:57392616-574400297	0.0669371	0.999791
XLOC_008427	XLOC_008427	GSPT1	chr16:11961984-12010519	0.0669622	0.999791
XLOC_022838	XLOC_022838	EXOSC3	chr9:37779710-37785089	0.0669683	0.999791
XLOC_005552	XLOC_005552	METT1L	chr12:58162350-58165914	0.0669981	0.999791
XLOC_010601	XLOC_010601	ZNF491	chr19:11909390-11919306	0.0670209	1
XLOC_008442	XLOC_008442	NOMO2	chr16:18511181-18573434	0.0670366	0.999791
XLOC_008223	XLOC_008223	IST1	chr16:71928310-72033877	0.0670601	0.999791
XLOC_016791	XLOC_016791	CXCL3	chr4:74902311-74904490	0.0671623	1
XLOC_009277	XLOC_009277	SLC16A5	chr17:73083821-73102255	0.0671873	0.999791
XLOC_011731	XLOC_011731	PLAUR	chr19:44150246-44174498	0.0672331	0.999791
XLOC_020995	XLOC_020995	LOC401320	chr7:30587972-30617395	0.0672579	0.999791
XLOC_023125	XLOC_023125	TTF1	chr9:135250936-135282238	0.0673085	0.999791
XLOC_009300	XLOC_009300	SNHG16	chr17:74553845-74561430	0.0673417	0.999791
XLOC_002748	XLOC_002748	FAM175B	chr10:126490353-126525239	0.0673679	0.999791
XLOC_018535	XLOC_018535	LTV1	chr6:144164507-144184943	0.0673869	0.999791
XLOC_006342	XLOC_006342	MGAT2	chr14:50087488-50090199	0.0674449	0.999791
XLOC_015025	XLOC_015025	EXOG	chr3:38537762-38567796	0.0674579	0.999791
XLOC_017413	XLOC_017413	ABLIM3	chr5:148521053-148639999	0.0675207	1
XLOC_017298	XLOC_017298	SLC12A2	chr5:127419482-127525380	0.0675857	0.999791
XLOC_021088	XLOC_021088	LOC493754	chr7:66018552-66043498	0.0676393	0.999791
XLOC_003647	XLOC_003647	CCS	chr11:66360689-66373490	0.0676583	0.999791
XLOC_023723	XLOC_023723	BRCC3	chrX:154299694-154351349	0.0676593	0.999791
XLOC_015340	XLOC_015340	NUDT16	chr3:131100514-131107674	0.0677499	0.999791
XLOC_000337	XLOC_000337	KDM4A	chr1:44115796-44173012	0.0678153	0.999791
XLOC_020849	XLOC_020849	REPIN1	chr7:150065878-150071133	0.0678314	0.999791
XLOC_001748	XLOC_001748	ZNF697	chr1:120161999-120190390	0.0678647	0.999791
XLOC_011964	XLOC_011964	HSPBP1	chr19:55773590-55791751	0.0679489	0.999791
XLOC_010122	XLOC_010122	CHMP1B	chr18:11689013-11908796	0.0680273	0.999791
XLOC_014488	XLOC_014488	HSCB	chr22:29138042-29153496	0.068057	0.999791
XLOC_017528	XLOC_017528	RUFY1	chr5:178977561-179037027	0.068149	0.999791
XLOC_018015	XLOC_018015	GNB2L1	chr5:180663927-180670906	0.0682151	0.999791
XLOC_007156	XLOC_007156	CHAC1	chr15:41245635-41248717	0.0682512	0.999791
XLOC_012917	XLOC_012917	CCDC88A	chr2:55514977-55647057	0.0682872	0.999791

XLOC_011445	XLOC_011445	ZNF44	chr19:12382624-12405714	0.0683003	0.999791
XLOC_007600	XLOC_007600	MNS1	chr15:56657643-56757335	0.06835	0.999791
XLOC_020510	XLOC_020510	ZNF107	chr7:64126510-64171401	0.06838	0.999791
XLOC_012189	XLOC_012189	CCDC104	chr2:55746739-55772216	0.0684288	0.999791
XLOC_023461	XLOC_023461	NLGN3	chrX:70364680-70391051	0.0684298	0.999791
XLOC_010118	XLOC_010118	VAPA	chr18:9913954-9960018	0.0684363	0.999791
XLOC_008563	XLOC_008563	SIAH1	chr16:48274602-48420559	0.0684688	0.999791
XLOC_018533	XLOC_018533	PEX3	chr6:143771917-143811751	0.0685029	0.999791
XLOC_011450	XLOC_011450	ZNF709	chr19:12571997-12595632	0.0685498	0.999791
XLOC_020568	XLOC_020568	SRRM3	chr7:75831215-75916605	0.0685586	0.999791
XLOC_012539	XLOC_012539	PLEKHA3	chr2:179059207-179672150	0.0686002	0.999791
XLOC_016455	XLOC_016455	AIMP1	chr4:106967232-107270381	0.0686633	0.999791
XLOC_009977	XLOC_009977	TRIM47	chr17:73870244-73874656	0.0686925	0.999791
XLOC_006737	XLOC_006737	TGM1	chr14:24718319-24732416	0.0686932	1
XLOC_002279	XLOC_002279	ADSS	chr1:244571793-244615436	0.0687093	0.999791
XLOC_005557	XLOC_005557	LRIG3	chr12:59265936-59314319	0.0687406	0.999791
XLOC_020925	XLOC_020925	DAGLB	chr7:6448746-6487643	0.0687687	0.999791
XLOC_002502	XLOC_002502	PALD1	chr10:72238563-72328206	0.0688125	0.999791
XLOC_002961	XLOC_002961	DNAJC12	chr10:69556426-69597937	0.068815	0.999791
XLOC_014612	XLOC_014612	PARVB	chr22:44395090-44565112	0.0688355	0.999791
XLOC_023700	XLOC_023700	TMEM187	chrX:153237990-153248646	0.0688434	0.999791
XLOC_015576	XLOC_015576	TAMM41	chr3:11831918-11883352	0.0688551	0.999791
XLOC_016453	XLOC_016453	GSTCD	chr4:106629940-106768882	0.0688642	0.999791
XLOC_015251	XLOC_015251	PHLDB2,PLCXD2	chr3:111393522-111695364	0.0689299	0.999791
XLOC_011299	XLOC_011299	LMNB2	chr19:2428162-2456966	0.0689328	0.999791
XLOC_011578	XLOC_011578	LINC00662	chr19:28281400-28284848	0.068942	0.999791
XLOC_005858	XLOC_005858	UFM1	chr13:38923941-38937143	0.0689433	0.999791
XLOC_004273	XLOC_004273	NXF1	chr11:62559597-62572964	0.0689916	0.999791
XLOC_015522	XLOC_015522	OPA1	chr3:193310932-193415600	0.0690154	0.999791
XLOC_020870	XLOC_020870	GALNT11	chr7:151722777-151819427	0.0690222	0.999791
XLOC_008475	XLOC_008475	NDUFAB1	chr16:23592334-23607639	0.0690319	0.999791
XLOC_021943	XLOC_021943	TMEM66	chr8:29920257-30108213	0.0690752	0.999791
XLOC_000639	XLOC_000639	LIX1L	chr1:145477084-145499091	0.0691124	0.999791
XLOC_022510	XLOC_022510	FAM225A	chr9:115875175-115882126	0.0692231	0.999791
XLOC_016270	XLOC_016270	STIM2	chr4:26862312-27027003	0.0692456	0.999791
XLOC_012902	XLOC_012902	MCFD2	chr2:47129008-47303275	0.0692501	0.999791
XLOC_007875	XLOC_007875	DNASE1L2	chr16:2286467-2288712	0.0692805	0.999791
XLOC_021410	XLOC_021410	XRCC2	chr7:152343586-152373250	0.069377	0.999791
XLOC_002940	XLOC_002940	A1CF	chr10:52559168-52645435	0.0694013	1
XLOC_005629	XLOC_005629	SOCS2-AS1	chr12:93959403-93970521	0.069414	0.999791
XLOC_023976	XLOC_023976	TRMT2B	chrX:100264333-100307105	0.0694167	0.999791
XLOC_017692	XLOC_017692	MRPS27	chr5:71515235-71616084	0.0694237	0.999791
XLOC_006044	XLOC_006044	USP12	chr13:27640286-27746033	0.0694268	0.999791
XLOC_012080	XLOC_012080	RAB10	chr2:26256728-26360323	0.0694556	0.999791
XLOC_005895	XLOC_005895	PHF11	chr13:50069800-501103117	0.0694737	0.999791
XLOC_021529	XLOC_021529	ESCO2	chr8:27632057-27662424	0.0694739	0.999791
XLOC_012242	XLOC_012242	ALMS1	chr2:73612885-73837046	0.0694749	0.999791
XLOC_001887	XLOC_001887	GBA	chr1:155204238-155214653	0.0695453	0.999791
XLOC_017313	XLOC_017313	RAD50	chr5:131892615-131980313	0.0695969	0.999791
XLOC_001991	XLOC_001991	ALDH9A1	chr1:165631448-165667900	0.069632	0.999791
XLOC_021511	XLOC_021511	LOC389641	chr8:23082733-23088439	0.0696944	0.999791
XLOC_017224	XLOC_017224	XRCC4	chr5:82373316-82649579	0.0698042	0.999791
XLOC_022255	XLOC_022255	ZNF16	chr8:146155743-146176274	0.0698198	0.999791
XLOC_011261	XLOC_011261	C2CD4C	chr19:405442-409170	0.0698291	0.999791
XLOC_008350	XLOC_008350	SNORA10	chr16:2012061-2014827	0.0698444	0.999791
XLOC_012310	XLOC_012310	CIAO1	chr2:96931883-96939900	0.0698466	0.999791
XLOC_009460	XLOC_009460	NEURL4	chr17:7218950-7232638	0.0698613	0.999791
XLOC_020789	XLOC_020789	TMEM178B	chr7:140774031-141180179	0.0699429	1
XLOC_000534	XLOC_000534	RTCA	chr1:100731713-100758325	0.069984	0.999791
XLOC_008731	XLOC_008731	ANKRD11	chr16:89334028-89556969	0.0699956	0.999791
XLOC_000236	XLOC_000236	GMEB1	chr1:28995239-29042115	0.0700182	0.999791
XLOC_022153	XLOC_022153	DSCC1	chr8:120846180-120868170	0.0700557	0.999791
XLOC_010852	XLOC_010852	TIMM50	chr19:39971051-39981528	0.0700761	0.999791
XLOC_020597	XLOC_020597	GTPBP10	chr7:89975978-90020769	0.0701248	0.999791
XLOC_001820	XLOC_001820	TDRKH	chr1:151744040-151763010	0.0701673	0.999791
XLOC_003426	XLOC_003426	SLC35C1	chr11:45825622-45834567	0.070173	0.999791
XLOC_005670	XLOC_005670	CKAP4	chr12:106631658-106641713	0.0702179	0.999791
XLOC_001958	XLOC_001958	COPA	chr1:160258376-160328742	0.0702507	0.999791
XLOC_013195	XLOC_013195	BAZ2B	chr2:160175489-160473059	0.0705113	0.999791
XLOC_023772	XLOC_023772	CTPS2	chrX:16606121-16731059	0.0705139	0.999791
XLOC_001549	XLOC_001549	ZCCHC11	chr1:52888947-53018762	0.0705227	0.999791
XLOC_016409	XLOC_016409	MRPS18C	chr4:84377117-84406290	0.0705451	0.999791
XLOC_004643	XLOC_004643	WNK1	chr12:862088-1020618	0.0705986	0.999791
XLOC_005367	XLOC_005367	ERGIC2	chr12:29493578-29534143	0.0706136	0.999791
XLOC_004964	XLOC_004964	TBK1	chr12:64845839-64895899	0.070641	0.999791
XLOC_011006	XLOC_011006	BAX	chr19:49458116-49465055	0.0706702	0.999791
XLOC_006373	XLOC_006373	ACTR10	chr14:58666832-58702353	0.0706717	0.999791
XLOC_021208	XLOC_021208	GPC2	chr7:99767228-99774990	0.0707244	0.999791
XLOC_013314	XLOC_013314	ALS2	chr2:202564985-202645895	0.0707878	0.999791

XLOC_001859	XLOC_001859	S100A13	chr1:153591275-153618782	0.070824	0.999791
XLOC_020646	XLOC_020646	SPDYE3	chr7:99905324-99965454	0.0708337	1
XLOC_023932	XLOC_023932	PHKA1	chrX:71798663-71934029	0.0708389	0.999791
XLOC_006184	XLOC_006184	ABCC4	chr13:95672082-95953687	0.0708559	0.999791
XLOC_015244	XLOC_015244	DZIP3	chr3:108268717-108413693	0.0709803	0.999791
XLOC_006114	XLOC_006114	ESD	chr13:47345390-47371367	0.0710053	0.999791
XLOC_021224	XLOC_021224	VGf	chr7:100805789-100808852	0.0710063	0.999791
XLOC_005134	XLOC_005134	CCDC64	chr12:120427647-120532299	0.0710352	0.999791
XLOC_019031	XLOC_019031	MICAL1	chr6:109765265-10977190	0.0710392	0.999791
XLOC_011353	XLOC_011353	GTF2F1	chr19:6379579-6393291	0.0710476	0.999791
XLOC_005016	XLOC_005016	C12orf29	chr12:88429267-88535993	0.0710514	0.999791
XLOC_021520	XLOC_021520	DOCK5	chr8:25042286-25270619	0.0711597	0.999791
XLOC_013592	XLOC_013592	POFUT1	chr20:30795695-30826467	0.0711861	0.999791
XLOC_005736	XLOC_005736	RPLP0	chr12:120634502-120639014	0.0712543	0.999791
XLOC_010798	XLOC_010798	PSENFEN	chr19:36236493-36237903	0.0712722	0.999791
XLOC_000358	XLOC_000358	UROD	chr1:45477804-45481341	0.0712809	0.999791
XLOC_011164	XLOC_011164	LENG8	chr19:54960064-54974894	0.0713133	0.999791
XLOC_022813	XLOC_022813	STOML2	chr9:35099888-35103154	0.071339	0.999791
XLOC_003860	XLOC_003860	C2CD2L	chr11:118978092-118987827	0.0714281	0.999791
XLOC_005378	XLOC_005378	YARS2	chr12:32899477-32908887	0.0714708	0.999791
XLOC_006887	XLOC_006887	FAM161B	chr14:74399694-74429813	0.0715143	0.999791
XLOC_005192	XLOC_005192	LOC116437	chr12:131649555-1316897476	0.0715486	1
XLOC_008353	XLOC_008353	ZNF598	chr16:2047652-2059822	0.0715557	0.999791
XLOC_005716	XLOC_005716	RBM19	chr12:114254542-114404176	0.071596	0.999791
XLOC_007433	XLOC_007433	ASB7	chr15:101142754-101191904	0.0716627	0.999791
XLOC_002218	XLOC_002218	ITPKB	chr1:226819390-226926876	0.0716727	0.999791
XLOC_002708	XLOC_002708	TRUB1	chr10:116697951-116737439	0.0716912	0.999791
XLOC_012963	XLOC_012963	TIA1	chr2:70436575-70475779	0.0717144	0.999791
XLOC_005407	XLOC_005407	HDAC7	chr12:48166966-48213763	0.0717154	0.999791
XLOC_006906	XLOC_006906	IRF2BPL	chr14:77490885-77495042	0.071763	0.999791
XLOC_010205	XLOC_010205	POLI	chr18:51795848-51824604	0.0717631	0.999791
XLOC_014540	XLOC_014540	KCTD17	chr22:37447778-37459430	0.071881	0.999791
XLOC_023828	XLOC_023828	SLC9A7	chrX:46458685-46618607	0.0719125	0.999791
XLOC_021609	XLOC_021609	YTHDF3	chr8:64081120-64125346	0.0719465	0.999791
XLOC_003416	XLOC_003416	C11orf96	chr11:43964105-43965433	0.0719886	1
XLOC_016609	XLOC_016609	FRG1	chr4:190861973-190884359	0.0720554	0.999791
XLOC_022976	XLOC_022976	ALG2	chr9:101978706-101984246	0.0720713	0.999791
XLOC_006636	XLOC_006636	RCOR1	chr14:103058995-103196913	0.0720899	0.999791
XLOC_020603	XLOC_020603	GATAD1	chr7:92076761-92089381	0.0721108	0.999791
XLOC_000063	XLOC_000063	PARK7	chr1:8021713-8045342	0.0721533	0.999791
XLOC_003029	XLOC_003029	GLUD1	chr10:88809958-88854776	0.072257	0.999791
XLOC_007280	XLOC_007280	LRRC49	chr15:71184927-71342436	0.0722577	0.999791
XLOC_012883	XLOC_012883	THUMP2	chr2:39963199-40006416	0.0722957	0.999791
XLOC_009147	XLOC_009147	CALCOCO2	chr17:46908349-46942607	0.0723502	0.999791
XLOC_008928	XLOC_008928	NLK	chr17:26369687-26523404	0.0724435	0.999791
XLOC_007945	XLOC_007945	SHISA9	chr16:12995476-13334273	0.0724492	0.999791
XLOC_012211	XLOC_012211	CEP68	chr2:65283494-65357435	0.0725283	0.999791
XLOC_019102	XLOC_019102	MAP3K5	chr6:136878186-137113656	0.0725454	0.999791
XLOC_013546	XLOC_013546	SEC23B	chr20:18488187-18542059	0.0725495	0.999791
XLOC_012241	XLOC_012241	CCT7	chr2:73461363-73480150	0.0726727	0.999791
XLOC_001203	XLOC_001203	MRPL20	chr1:1334909-1342693	0.0727393	0.999791
XLOC_018278	XLOC_018278	ZFAND3	chr6:37787306-38122399	0.0727813	0.999791
XLOC_002338	XLOC_002338	ATP5C1	chr10:7830092-7849762	0.0727923	0.999791
XLOC_011037	XLOC_011037	ADM5	chr19:50191941-50194247	0.0729152	0.999791
XLOC_003125	XLOC_003125	OBFC1	chr10:105637317-105678045	0.0729279	0.999791
XLOC_004535	XLOC_004535	ZW10	chr11:113603904-113644485	0.0729652	0.999791
XLOC_014844	XLOC_014844	ST13	chr22:41220600-41252687	0.0731362	0.999791
XLOC_008506	XLOC_008506	TBX6	chr16:30097114-30103205	0.0732518	0.999791
XLOC_003708	XLOC_003708	PAAF1	chr11:73583712-73638781	0.0732524	0.999791
XLOC_012951	XLOC_012951	PPP3R1	chr2:68405988-68479651	0.0732998	0.999791
XLOC_021000	XLOC_021000	LSM5	chr7:32524944-32534870	0.0733056	0.999791
XLOC_023274	XLOC_023274	CA5BP1	chrX:15693038-15721474	0.0733184	0.999791
XLOC_007315	XLOC_007315	NEIL1	chr15:75639330-75647592	0.0733192	0.999791
XLOC_010848	XLOC_010848	MED29	chr19:39881962-39891203	0.0733262	0.999791
XLOC_015629	XLOC_015629	TRANK1	chr3:36868307-36986548	0.0733985	1
XLOC_017771	XLOC_017771	TRIM36	chr5:114460458-114516243	0.0734516	0.999791
XLOC_001616	XLOC_001616	USP33	chr1:78161673-78225564	0.0734633	0.999791
XLOC_000824	XLOC_000824	NDUFS2	chr1:161169104-161184184	0.073473	0.999791
XLOC_019094	XLOC_019094	SGK1	chr6:134490383-134639196	0.0734914	0.999791
XLOC_021257	XLOC_021257	COG5	chr7:106809405-107218968	0.0735544	0.999791
XLOC_003264	XLOC_003264	PGAP2	chr11:3696239-3847601	0.0735999	0.999791
XLOC_012414	XLOC_012414	LOC254128	chr2:122407229-122494503	0.0736033	0.999791
XLOC_013391	XLOC_013391	WDFY1	chr2:224740064-224810052	0.0736068	0.999791
XLOC_004547	XLOC_004547	SIK3	chr11:116714117-116968993	0.0736356	0.999791
XLOC_015295	XLOC_015295	PARP14	chr3:122399671-122449687	0.0736468	0.999791
XLOC_008297	XLOC_008297	CPNE7	chr16:89642175-89663654	0.073688	0.999791
XLOC_006432	XLOC_006432	PAPLN	chr14:73704204-73741347	0.0736963	1
XLOC_023019	XLOC_023019	FKBP15	chr9:115927799-115983641	0.0737579	0.999791
XLOC_015043	XLOC_015043	VIPR1	chr3:42530790-42579065	0.0738083	0.999791

XLOC_021269	XLOC_021269	TMEM168	chr7:112405786-112430478	0.0738203	0.999791
XLOC_021574	XLOC_021574	C8orf40	chr8:42273979-42408140	0.073831	0.999791
XLOC_000553	XLOC_000553	PRPF38B	chr1:109234931-109244422	0.0738457	0.999791
XLOC_020792	XLOC_020792	SSBP1	chr7:141438120-141450288	0.0738736	0.999791
XLOC_008963	XLOC_008963	SUZ12P1	chr17:29036625-29097068	0.0738835	0.999791
XLOC_007988	XLOC_007988	EEF2K	chr16:22217591-22300066	0.0739719	0.999791
XLOC_008902	XLOC_008902	FBXW10	chr17:18647325-18682662	0.0739789	1
XLOC_012802	XLOC_012802	NT5C1B,NT5C1B-RDH14,RDH14	chr2:18735988-18770846	0.0740376	0.999791
XLOC_013113	XLOC_013113	PAX8	chr2:113973573-114036498	0.0740951	0.999791
XLOC_005498	XLOC_005498	CBX5	chr12:54624730-54673915	0.0741224	0.999791
XLOC_000617	XLOC_000617	TTF2	chr1:117602948-117645491	0.0741454	0.999791
XLOC_016333	XLOC_016333	POLR2B	chr4:57845108-58071465	0.0741564	0.999791
XLOC_001876	XLOC_001876	PMVK	chr1:154897207-154909484	0.074163	0.999791
XLOC_018314	XLOC_018314	TJAP1	chr6:43445260-43474294	0.0742133	0.999791
XLOC_007219	XLOC_007219	TMOD3	chr15:52121824-52204331	0.0742711	0.999791
XLOC_014642	XLOC_014642	TRABD	chr22:50624359-50638027	0.0742951	0.999791
XLOC_004717	XLOC_004717	LOC642846	chr12:9436252-9466684	0.0743013	0.999791
XLOC_005674	XLOC_005674	CRY1	chr12:107385142-107487635	0.0743079	0.999791
XLOC_015902	XLOC_015902	CCDC58	chr3:122078435-122102074	0.0743418	0.999791
XLOC_021184	XLOC_021184	TECPR1	chr7:97844754-97881563	0.0743481	0.999791
XLOC_014889	XLOC_014889	CDPF1	chr22:46639909-46646193	0.0743811	0.999791
XLOC_008717	XLOC_008717	KLHDC4	chr16:87741417-87799598	0.0744129	0.999791
XLOC_023041	XLOC_023041	FBXW2	chr9:123519253-123555740	0.0744405	0.999791
XLOC_010210	XLOC_010210	WDR7	chr18:54318615-54697036	0.0745013	0.999791
XLOC_023460	XLOC_023460	MED12	chrX:70338405-70362304	0.0745614	0.999791
XLOC_017708	XLOC_017708	TBCA	chr5:76986994-77072185	0.0746379	0.999791
XLOC_007543	XLOC_007543	ZSCAN29	chr15:43650369-43662258	0.0746553	0.999791
XLOC_012203	XLOC_012203	OTX1	chr2:63277191-63284966	0.0747387	0.999791
XLOC_007462	XLOC_007462	UBE3A	chr15:25582395-25684175	0.0747688	0.999791
XLOC_006520	XLOC_006520	GSKIP	chr14:96829788-96853627	0.0747831	0.999791
XLOC_022714	XLOC_022714	AK3	chr9:4709556-4742043	0.0748424	0.999791
XLOC_021883	XLOC_021883	DLC1	chr8:12940871-13372429	0.0748506	0.999791
XLOC_006885	XLOC_006885	PNMA1	chr14:74178485-74181128	0.0748622	0.999791
XLOC_020901	XLOC_020901	PSMG3	chr7:1606969-1609668	0.0748814	0.999791
XLOC_022028	XLOC_022028	COP55	chr8:67955314-67974562	0.0748931	0.999791
XLOC_002965	XLOC_002965	RUFY2	chr10:70103274-70167051	0.0749019	0.999791
XLOC_006064	XLOC_006064	N4BP2L2	chr13:33006929-33112936	0.0749364	0.999791
XLOC_017013	XLOC_017013	MGC45800	chr4:183060158-183065668	0.0749679	0.999791
XLOC_006409	XLOC_006409	EIF2S1	chr14:67827033-67853233	0.0751053	0.999791
XLOC_001504	XLOC_001504	SLC6A9	chr1:44457279-44497164	0.0751871	0.999791
XLOC_015759	XLOC_015759	TNNC1	chr3:52485106-52488057	0.075258	0.999791
XLOC_023995	XLOC_023995	MORF4L2	chrX:102930425-102947484	0.0752664	0.999791
XLOC_007707	XLOC_007707	TYRO3P	chr15:76508628-76603810	0.0753126	1
XLOC_022268	XLOC_022268	PPAPDC2	chr9:4598315-4666674	0.075343	0.999791
XLOC_007322	XLOC_007322	RCN2	chr15:77223961-77242601	0.0753438	0.999791
XLOC_009199	XLOC_009199	PRR11	chr17:57232859-57284070	0.0753666	0.999791
XLOC_004661	XLOC_004661	RAD51AP1	chr12:4647949-4669213	0.0753839	0.999791
XLOC_021436	XLOC_021436	AGPAT5	chr8:6565877-6619021	0.0755115	0.999791
XLOC_001218	XLOC_001218	PEX10	chr1:2323213-2344010	0.0755198	0.999791
XLOC_016878	XLOC_016878	PPA2	chr4:106290233-106395227	0.07552	0.999791
XLOC_008209	XLOC_008209	PDPR	chr16:70147528-70195184	0.0755465	0.999791
XLOC_004177	XLOC_004177	MTCH2	chr11:47638857-47664206	0.075557	0.999791
XLOC_020563	XLOC_020563	RHBDD2	chr7:75508316-75518244	0.0756031	0.999791
XLOC_011089	XLOC_011089	ZNF701	chr19:53073525-53090427	0.075606	1
XLOC_024011	XLOC_024011	PSMD10	chrX:107327434-107334874	0.0756371	0.999791
XLOC_022141	XLOC_022141	SYBU	chr8:110586404-110704020	0.0756442	0.999791
XLOC_015071	XLOC_015071	SACM1L	chr3:45730753-45786900	0.07566	0.999791
XLOC_007226	XLOC_007226	LOC283663	chr15:57592562-57599967	0.0756755	1
XLOC_008380	XLOC_008380	ZNF200	chr16:3272324-3285457	0.075775	0.999791
XLOC_003536	XLOC_003536	CD5	chr11:60869929-60895323	0.075828	1
XLOC_013961	XLOC_013961	TTI1	chr20:36611422-36661833	0.0758374	0.999791
XLOC_022591	XLOC_022591	SPTAN1	chr9:131314836-131419129	0.0758657	0.999791
XLOC_013947	XLOC_013947	NFS1	chr20:34256609-34288902	0.0758893	0.999791
XLOC_015142	XLOC_015142	GNL3	chr3:52719935-52742197	0.0759597	0.999791
XLOC_023200	XLOC_023200	NSMF	chr9:140342022-140353786	0.0760313	0.999791
XLOC_010637	XLOC_010637	CD97	chr19:14491955-14519537	0.0760563	0.999791
XLOC_002139	XLOC_002139	RBBP5	chr1:205055269-205091150	0.0760717	0.999791
XLOC_023588	XLOC_023588	SLC25A43	chrX:118533257-118588437	0.0760911	0.999791
XLOC_008914	XLOC_008914	SPECC1	chr17:19912648-20218072	0.0760969	0.999791
XLOC_008201	XLOC_008201	VPS4A	chr16:69345286-69358946	0.0761946	0.999791
XLOC_016800	XLOC_016800	SDAD1	chr4:76871067-76912113	0.0762491	0.999791
XLOC_006154	XLOC_006154	MZT1	chr13:73282494-73301938	0.0762825	0.999791
XLOC_000233	XLOC_000233	TRNAU1AP	chr1:28879528-28908366	0.0762936	0.999791
XLOC_000410	XLOC_000410	MROH7,TTC4	chr1:55107426-55208328	0.0763294	0.999791
XLOC_019057	XLOC_019057	GOPC	chr6:117803819-117923705	0.0763298	0.999791
XLOC_020893	XLOC_020893	ADAP1	chr7:937536-994289	0.0763727	0.999791
XLOC_002494	XLOC_002494	SUPV3L1	chr10:70939992-70968849	0.0763811	0.999791
XLOC_020662	XLOC_020662	MUC12	chr7:100612903-100662230	0.0763818	1
XLOC_004209	XLOC_004209	SSRP1	chr11:57093458-57103351	0.0763943	0.999791

XLOC_010822	XLOC_010822	HKR1	chr19:37825579-37855357	0.0764073	0.999791
XLOC_000911	XLOC_000911	TOR1AIP1	chr1:179851176-179889212	0.0764374	0.999791
XLOC_009251	XLOC_009251	PRKAR1A	chr17:66507920-66597095	0.0764892	0.999791
XLOC_017610	XLOC_017610	LMBRD2	chr5:36103413-36152015	0.0765418	1
XLOC_017082	XLOC_017082	FAM105A	chr5:14581890-14616287	0.0765419	0.999791
XLOC_022843	XLOC_022843	ANKRD18A	chr9:38571360-38620360	0.0765443	0.999791
XLOC_008625	XLOC_008625	ATP6V0D1	chr16:67471916-67515089	0.0765473	0.999791
XLOC_010482	XLOC_010482	NFIC	chr19:3359560-3469215	0.0765786	0.999791
XLOC_007257	XLOC_007257	RAB11A	chr15:66161796-66184329	0.0766066	0.999791
XLOC_006942	XLOC_006942	ITPK1	chr14:93403258-93582263	0.0766078	0.999791
XLOC_005253	XLOC_005253	PHB2	chr12:7074514-7079916	0.0766468	0.999791
XLOC_004862	XLOC_004862	EIF4B	chr12:53400061-53435993	0.0766682	0.999791
XLOC_013629	XLOC_013629	PHF20	chr20:34359922-34538288	0.0766829	0.999791
XLOC_003226	XLOC_003226	PHRF1	chr11:576482-612222	0.0767017	0.999791
XLOC_005147	XLOC_005147	P2RX4	chr12:121647663-121671909	0.0767251	0.999791
XLOC_012167	XLOC_012167	RHOQ	chr2:46769866-46844251	0.0767399	0.999791
XLOC_013735	XLOC_013735	RAE1	chr20:55904830-55998278	0.0767624	0.999791
XLOC_020591	XLOC_020591	ADAM22	chr7:87563565-87832204	0.0767945	0.999791
XLOC_010736	XLOC_010736	RPSAP58	chr19:23945815-24010919	0.0769128	0.999791
XLOC_000237	XLOC_000237	YTHDF2	chr1:29063132-29096287	0.0769175	0.999791
XLOC_014243	XLOC_014243	C21orf91	chr21:19149720-19191703	0.0769792	0.999791
XLOC_021664	XLOC_021664	RIPK2	chr8:90769974-90803292	0.077009	0.999791
XLOC_006965	XLOC_006965	ATG2B	chr14:96747594-96829678	0.0770403	0.999791
XLOC_012886	XLOC_012886	COX7A2L	chr2:42577644-42588356	0.0770783	0.999791
XLOC_002493	XLOC_002493	VPS26A	chr10:70883907-70932616	0.07715	0.999791
XLOC_009259	XLOC_009259	C17orf80	chr17:71228775-71258019	0.0772326	0.999791
XLOC_015070	XLOC_015070	LIMD1	chr3:45636322-45730374	0.0772756	0.999791
XLOC_004569	XLOC_004569	HYOU1	chr11:118914895-118927925	0.0773012	0.999791
XLOC_011954	XLOC_011954	GP6	chr19:55525074-55549632	0.0773017	1
XLOC_006275	XLOC_006275	OXA1L	chr14:23235730-23240998	0.0773043	0.999791
XLOC_004752	XLOC_004752	STRAP	chr12:16035287-16056410	0.0773597	0.999791
XLOC_009009	XLOC_009009	AATF	chr17:35306174-35414171	0.0774153	0.999791
XLOC_001466	XLOC_001466	FHL3	chr1:38462441-38471187	0.0774278	0.999791
XLOC_014585	XLOC_014585	L3MBTL2	chr22:41601312-41636935	0.0775183	0.999791
XLOC_011193	XLOC_011193	ZNF581	chr19:56154985-56156989	0.0775293	0.999791
XLOC_002285	XLOC_002285	AHCTF1	chr1:247002401-247094726	0.0775309	0.999791
XLOC_013676	XLOC_013676	YWHAB	chr20:43514343-43537161	0.0775781	0.999791
XLOC_012757	XLOC_012757	D2HGDH	chr2:242674029-242708231	0.0775785	0.999791
XLOC_002484	XLOC_002484	HNRNP33	chr10:70042416-70102953	0.0776164	0.999791
XLOC_008088	XLOC_008088	ORC6	chr16:46723557-46732306	0.0776362	0.999791
XLOC_013074	XLOC_013074	SNORD89	chr2:101889397-101889511	0.0776758	0.999791
XLOC_015906	XLOC_015906	HSPBAP1	chr3:122458843-122512666	0.077723	0.999791
XLOC_012690	XLOC_012690	CAB39	chr2:231577556-231685790	0.077728	0.999791
XLOC_019156	XLOC_019156	SERAC1	chr6:158530535-158589312	0.0777548	0.999791
XLOC_018740	XLOC_018740	PPP1R10	chr6:30568176-30585084	0.0777678	0.999791
XLOC_021860	XLOC_021860	PINX1	chr8:10622883-10697299	0.0777961	0.999791
XLOC_000765	XLOC_000765	MSTO2P	chr1:155715558-155826972	0.0778461	1
XLOC_008958	XLOC_008958	CPD	chr17:28705941-28796675	0.0779035	0.999791
XLOC_018665	XLOC_018665	KIAA0319	chr6:24544331-24646383	0.0779273	1
XLOC_011583	XLOC_011583	LOC400684	chr19:32880955-32896445	0.0779686	0.999791
XLOC_006082	XLOC_006082	PROSER1	chr13:39584001-39612213	0.0780745	0.999791
XLOC_017508	XLOC_017508	ZNF346	chr5:176449696-176493745	0.078163	0.999791
XLOC_005151	XLOC_005151	SETD1B	chr12:122242637-122270562	0.0781713	0.999791
XLOC_008677	XLOC_008677	WDR59	chr16:74907470-75019017	0.0782134	0.999791
XLOC_016992	XLOC_016992	DDX60	chr4:169137441-169239958	0.0782194	1
XLOC_018959	XLOC_018959	EEF1A1	chr6:74225472-74230755	0.0782323	0.999791
XLOC_011311	XLOC_011311	CACTIN	chr19:3607244-3626813	0.0782511	0.999791
XLOC_022560	XLOC_022560	RABEPK	chr9:127962820-127996438	0.0782854	0.999791
XLOC_023016	XLOC_023016	ZNF883	chr9:115759399-115774472	0.0783289	0.999791
XLOC_007958	XLOC_007958	NDE1	chr16:15737123-15950887	0.078348	0.999791
XLOC_016249	XLOC_016249	BST1	chr4:15704572-15733796	0.0784044	0.999791
XLOC_008385	XLOC_008385	ZNF597	chr16:3486109-3493490	0.0784273	0.999791
XLOC_004275	XLOC_004275	WDR74	chr11:62600382-62607628	0.0785044	0.999791
XLOC_002354	XLOC_002354	HSPA14	chr10:14880260-14913740	0.0786368	0.999791
XLOC_022599	XLOC_022599	NUP188	chr9:131707808-131769375	0.0786452	0.999791
XLOC_012945	XLOC_012945	SPRED2	chr2:65537984-65659656	0.0786614	0.999791
XLOC_014083	XLOC_014083	STMN3	chr20:62271057-62284963	0.0787435	0.999791
XLOC_001733	XLOC_001733	SIKE1	chr1:115312104-115323308	0.078754	0.999791
XLOC_009862	XLOC_009862	CUEDC1	chr17:55938603-56032684	0.0787631	0.999791
XLOC_010919	XLOC_010919	ZNF227	chr19:44716690-44741421	0.0788093	0.999791
XLOC_006166	XLOC_006166	RNF219	chr13:78628989-79233314	0.0788186	0.999791
XLOC_018040	XLOC_018040	DSP	chr6:7541869-756946	0.0788542	0.999791
XLOC_021738	XLOC_021738	TRMT12	chr8:125463047-125465266	0.0788695	0.999791
XLOC_006894	XLOC_006894	KIAA0317	chr14:75127954-75179807	0.0789737	0.999791
XLOC_009981	XLOC_009981	ACOX1	chr17:73937588-74002080	0.0789873	0.999791
XLOC_013442	XLOC_013442	LOC151171	chr2:239419330-239464140	0.0790164	1
XLOC_012585	XLOC_012585	CFLAR	chr2:201980876-202037411	0.0790744	0.999791
XLOC_020630	XLOC_020630	ZNF789	chr7:99070514-99085217	0.0790845	0.999791
XLOC_009130	XLOC_009130	GOSR2	chr17:45000485-45018733	0.0791176	0.999791

XLOC_024193	XLOC_024193	UBL4A	chrX:153712055-153714932	0.0791353	0.999791
XLOC_009890	XLOC_009890	SCARNA20	chr17:58254690-58469586	0.0792118	1
XLOC_013359	XLOC_013359	AAMP	chr2:219128851-219134893	0.0792271	0.999791
XLOC_022589	XLOC_022589	ODF2	chr9:131217433-131263571	0.0792552	0.999791
XLOC_022939	XLOC_022939	IPPK	chr9:95059639-95432547	0.0793954	0.999791
XLOC_012479	XLOC_012479	PKP4	chr2:159313475-159537940	0.0794014	0.999791
XLOC_018544	XLOC_018544	SAMD5	chr6:147829827-147891157	0.0794356	0.999791
XLOC_021252	XLOC_021252	EFCAB10	chr7:105172531-105221976	0.0794481	0.999791
XLOC_007118	XLOC_007118	KLF13	chr15:31619082-31670102	0.0794876	0.999791
XLOC_021256	XLOC_021256	CCDC71L	chr7:106297210-106301634	0.0795448	0.999791
XLOC_012668	XLOC_012668	INHHA	chr2:220436953-220440435	0.0795589	0.999791
XLOC_009735	XLOC_009735	ACLY	chr17:40023178-40075272	0.0795849	0.999791
XLOC_016151	XLOC_016151	DLG1	chr3:196769430-197030621	0.0796154	0.999791
XLOC_011322	XLOC_011322	MAP2K2	chr19:4090319-4124126	0.0797027	0.999791
XLOC_016159	XLOC_016159	ZNF876P	chr4:206388-249773	0.0797924	1
XLOC_022692	XLOC_022692	C9orf173	chr9:140144670-140147949	0.0798051	1
XLOC_015940	XLOC_015940	CNBP	chr3:128886657-128902810	0.0798359	0.999791
XLOC_000206	XLOC_000206	DHDDS	chr1:26758772-26797795	0.0798495	0.999791
XLOC_014393	XLOC_014393	CECR7	chr22:17517459-17539682	0.0798839	0.999791
XLOC_003172	XLOC_003172	C10orf88	chr10:124690418-124713919	0.0798856	0.999791
XLOC_015804	XLOC_015804	MAGI1	chr3:65339905-66024509	0.0798869	0.999791
XLOC_013001	XLOC_013001	GCFC2	chr2:75889831-75938111	0.0800594	0.999791
XLOC_008047	XLOC_008047	CORO1A	chr16:30194730-30200575	0.0801032	0.999791
XLOC_021322	XLOC_021322	FLJ43663	chr7:130628918-130793562	0.0801345	0.999791
XLOC_000859	XLOC_000859	MPZL1	chr1:167691186-167761156	0.0802031	0.999791
XLOC_005813	XLOC_005813	SPATA13	chr13:24734860-24881212	0.0802118	0.999791
XLOC_009827	XLOC_009827	TTL6	chr17:46839592-46894469	0.0802542	1
XLOC_023287	XLOC_023287	PHKA2-AS1	chrX:18908413-19002480	0.0802886	1
XLOC_014834	XLOC_014834	RPL3	chr22:39708886-39715670	0.0803468	0.999791
XLOC_020613	XLOC_020613	PPP1R9A	chr7:94536948-94925727	0.0803473	0.999791
XLOC_012335	XLOC_012335	CNOT11	chr2:101869344-101886778	0.0803697	0.999791
XLOC_015548	XLOC_015548	CRBN	chr3:3191316-3221401	0.0803796	0.999791
XLOC_004098	XLOC_004098	SAAL1	chr11:18101889-18127638	0.0804102	0.999791
XLOC_011265	XLOC_011265	RNF126	chr19:647525-663233	0.0804645	0.999791
XLOC_003956	XLOC_003956	TOLLIP	chr11:1295597-1330892	0.080475	0.999791
XLOC_016470	XLOC_016470	AP1AR	chr4:113152894-113191211	0.0804891	0.999791
XLOC_013873	XLOC_013873	RBBP9	chr20:18467187-18477887	0.0805326	0.999791
XLOC_000830	XLOC_000830	HSPA6	chr1:161494035-161496687	0.0805352	0.999791
XLOC_017214	XLOC_017214	ZFYVE16	chr5:79703837-79775498	0.0806592	0.999791
XLOC_001069	XLOC_001069	CAPN2	chr1:223889294-223963720	0.080676	0.999791
XLOC_007105	XLOC_007105	HERC2P9	chr15:28899587-28930410	0.0807435	0.999791
XLOC_012063	XLOC_012063	GEN1	chr2:17935176-17966632	0.080745	0.999791
XLOC_018258	XLOC_018258	RPL10A	chr6:35436177-35438558	0.0807606	0.999791
XLOC_007792	XLOC_007792	TTC23	chr15:99676527-99789815	0.0807942	0.999791
XLOC_009181	XLOC_009181	HLF	chr17:53342320-53402426	0.0808522	1
XLOC_019152	XLOC_019152	TFB1M	chr6:155411422-155635617	0.0809038	0.999791
XLOC_008769	XLOC_008769	CYB5D2	chr17:4046461-4060995	0.0809344	0.999791
XLOC_018999	XLOC_018999	MAP3K7	chr6:91223291-91297020	0.081111	0.999791
XLOC_003609	XLOC_003609	CDC42EP2	chr11:65082288-65089900	0.0811258	0.999791
XLOC_022547	XLOC_022547	RABGAP1	chr9:125703287-125867147	0.0811264	0.999791
XLOC_006696	XLOC_006696	HNRNPC	chr14:21677295-21737638	0.0811405	0.999791
XLOC_015845	XLOC_015845	TOMM70A	chr3:100082302-100175170	0.0812011	0.999791
XLOC_023193	XLOC_023193	TMEM203	chr9:140098534-140100090	0.0812099	0.999791
XLOC_013707	XLOC_013707	DDX27	chr20:47835831-47860614	0.0812273	0.999791
XLOC_000852	XLOC_000852	UCK2	chr1:165796731-165880855	0.081252	0.999791
XLOC_008299	XLOC_008299	C16orf55	chr16:89710838-89736866	0.0812564	0.999791
XLOC_002076	XLOC_002076	TRMT1L	chr1:185087217-185260913	0.0813146	0.999791
XLOC_013291	XLOC_013291	GTFC3C	chr2:197627755-197664492	0.0813939	0.999791
XLOC_017163	XLOC_017163	CENPH	chr5:68485374-68506184	0.0814267	0.999791
XLOC_004061	XLOC_004061	TMEM9B	chr11:8968839-8985989	0.0815254	0.999791
XLOC_016295	XLOC_016295	TMEM33	chr4:41937136-41962824	0.081562	0.999791
XLOC_005390	XLOC_005390	PUS7L	chr12:44122409-44152620	0.0815635	0.999791
XLOC_006219	XLOC_006219	IRS2	chr13:110406183-110438914	0.0816375	0.999791
XLOC_007500	XLOC_007500	CSNK1A1P1	chr15:36871811-37110707	0.0817213	1
XLOC_010021	XLOC_010021	BAIAP2-AS1	chr17:79002932-79008519	0.0817239	0.999791
XLOC_003120	XLOC_003120	USMG5	chr10:105127723-105156270	0.0817558	0.999791
XLOC_012783	XLOC_012783	YWHAQ	chr2:9724105-9771106	0.0817627	0.999791
XLOC_017432	XLOC_017432	SLC36A1	chr5:150827162-150871940	0.0818257	0.999791
XLOC_012448	XLOC_012448	RAB3GAP1	chr2:135809834-135928279	0.0818684	0.999791
XLOC_017697	XLOC_017697	GFM2	chr5:73980968-74072737	0.0818782	0.999791
XLOC_008245	XLOC_008245	ATMIN	chr16:81069457-81080951	0.0818985	0.999791
XLOC_008492	XLOC_008492	TUFM	chr16:28853731-28857729	0.0819568	0.999791
XLOC_001865	XLOC_001865	JTB	chr1:153931574-153950451	0.0819873	0.999791
XLOC_017877	XLOC_017877	PLAC8L1	chr5:145463875-145483946	0.0820803	0.999791
XLOC_020847	XLOC_020847	C7orf29	chr7:149944300-150035245	0.0820825	0.999791
XLOC_023168	XLOC_023168	SEC16A	chr9:139334547-139380519	0.0821046	0.999791
XLOC_007641	XLOC_007641	VWA9	chr15:65871095-65903627	0.0821129	0.999791
XLOC_021130	XLOC_021130	POMZP3	chr7:76178657-76257299	0.0821261	0.999791
XLOC_010760	XLOC_010760	CEBPG	chr19:33864574-33873592	0.0822053	0.999791

XLOC_021732	XLOC_021732	ZHX2	chr8:123793900-123986755	0.0824	0.999791
XLOC_001642	XLOC_001642	GBP2	chr1:89573309-89591799	0.0824355	1
XLOC_010447	XLOC_010447	ATP5D	chr19:1241748-1244824	0.0824524	0.999791
XLOC_017928	XLOC_017928	RNF145	chr5:158584416-158637061	0.0824573	0.999791
XLOC_003677	XLOC_003677	CCND1	chr1:69455872-69469242	0.0824627	0.999791
XLOC_000826	XLOC_000826	TOMM40L	chr1:161195832-161208000	0.0824891	0.999791
XLOC_004931	XLOC_004931	SPRYD4	chr12:56862300-56882181	0.0825067	0.999791
XLOC_000312	XLOC_000312	NFYC	chr1:41154751-41237275	0.0825655	0.999791
XLOC_008602	XLOC_008602	GOT2	chr16:58741034-58768246	0.0825698	0.999791
XLOC_017323	XLOC_017323	UBE2B	chr5:133706869-133727799	0.0826755	0.999791
XLOC_008219	XLOC_008219	CALB2	chr16:71392615-71424342	0.082676	0.999791
XLOC_022645	XLOC_022645	WDR5	chr9:137001209-137025094	0.0827042	0.999791
XLOC_018032	XLOC_018032	PRPF4B	chr6:4021568-4065217	0.0828236	0.999791
XLOC_000482	XLOC_000482	RPF1	chr1:84944919-84972262	0.0828308	0.999791
XLOC_022670	XLOC_022670	RABL6	chr9:139690789-139735639	0.0829096	0.999791
XLOC_014729	XLOC_014729	FAM211B	chr22:24979717-25024972	0.082945	0.999791
XLOC_009536	XLOC_009536	FLII	chr17:18128935-18162230	0.0829628	0.999791
XLOC_008959	XLOC_008959	GOSR1	chr17:28804425-28853832	0.0829742	0.999791
XLOC_022530	XLOC_022530	LOC253039	chr9:123605319-123616651	0.0829762	0.999791
XLOC_015041	XLOC_015041	CTNNB1	chr3:41240941-41281939	0.0830169	0.999791
XLOC_015952	XLOC_015952	MRPL3	chr3:131181044-131221860	0.0830685	0.999791
XLOC_017987	XLOC_017987	AGXT2L2	chr5:177631507-177659803	0.0830979	0.999791
XLOC_006075	XLOC_006075	ALG5	chr13:37523907-37573504	0.0831771	0.999791
XLOC_023740	XLOC_023740	ARSD	chrX:2822010-2847416	0.0831981	0.999791
XLOC_012609	XLOC_012609	ZDBF2	chr2:207139522-207179148	0.0833583	0.999791
XLOC_000215	XLOC_000215	TRNP1	chr1:27320194-27327377	0.0833657	0.999791
XLOC_012140	XLOC_012140	LOC100505876	chr2:37423634-37458740	0.0834278	0.999791
XLOC_015058	XLOC_015058	ZKSCAN7	chr3:44596712-44624973	0.0834723	0.999791
XLOC_016997	XLOC_016997	C4orf27	chr4:170650618-170679093	0.0835076	0.999791
XLOC_017347	XLOC_017347	MATR3	chr5:138609440-138667366	0.0835589	0.999791
XLOC_007692	XLOC_007692	FAM219B	chr15:75192327-75199462	0.0836791	0.999791
XLOC_009013	XLOC_009013	DUSP14	chr17:35849950-35873588	0.0837144	0.999791
XLOC_012782	XLOC_012782	ADAM17	chr2:9629410-9695917	0.0837272	0.999791
XLOC_006281	XLOC_006281	C14orf119	chr14:23527773-23569665	0.0837296	0.999791
XLOC_004839	XLOC_004839	SMARCD1	chr12:50478982-50494494	0.0837589	0.999791
XLOC_012467	XLOC_012467	LYPD6	chr2:150186498-150330659	0.0837597	0.999791
XLOC_020713	XLOC_020713	NAA38	chr7:117824085-117844093	0.0837958	0.999791
XLOC_000266	XLOC_000266	ADC	chr1:33546713-33585995	0.0838366	0.999791
XLOC_011098	XLOC_011098	ZNF765	chr19:53898396-53915262	0.0838648	0.999791
XLOC_001263	XLOC_001263	SRM	chr1:11114648-11120091	0.0839059	0.999791
XLOC_017351	XLOC_017351	CXXC5	chr5:139028300-139062680	0.0839878	0.999791
XLOC_007194	XLOC_007194	SPATA5L1	chr15:45694518-45713616	0.0840265	0.999791
XLOC_004801	XLOC_004801	ALG10B	chr12:38710556-38723528	0.0840519	0.999791
XLOC_011950	XLOC_011950	LENG9	chr19:54960064-54974894	0.0841008	0.999791
XLOC_002225	XLOC_002225	MRPL55	chr1:228294379-228297013	0.0841229	0.999791
XLOC_021242	XLOC_021242	DNAJC2	chr7:102937872-102985320	0.084143	0.999791
XLOC_000633	XLOC_000633	SEC22B	chr1:145096406-145116997	0.0841659	0.999791
XLOC_012378	XLOC_012378	ZC3H6	chr2:113033177-113097640	0.0841878	1
XLOC_018207	XLOC_018207	MSH5,SAPCD1	chr6:31707724-31732624	0.0842127	0.999791
XLOC_018659	XLOC_018659	DEK	chr6:18224399-18264799	0.0843104	0.999791
XLOC_016687	XLOC_016687	FAM184B	chr4:17633708-17783135	0.0844512	1
XLOC_009776	XLOC_009776	SLC25A39	chr17:42396992-42402217	0.0844557	0.999791
XLOC_014172	XLOC_014172	ETS2	chr21:40177230-40196878	0.0845206	0.999791
XLOC_015604	XLOC_015604	EFHB	chr3:19920965-19975706	0.0845778	1
XLOC_016194	XLOC_016194	LOC100507266	chr4:4543857-4712664	0.0845841	1
XLOC_001161	XLOC_001161	RPS9	chr19:54704725-54711515	0.0846168	0.999791
XLOC_005902	XLOC_005902	RNASEH2B	chr13:51456514-51544596	0.0846202	0.999791
XLOC_001144	XLOC_001144	SCCPDH	chr1:246887377-246931440	0.0846396	0.999791
XLOC_007793	XLOC_007793	LYSMD4	chr15:100267611-100273626	0.0846574	0.999791
XLOC_020656	XLOC_020656	POP7	chr7:100303675-100305123	0.0846765	0.999791
XLOC_015866	XLOC_015866	GCSAM	chr3:111839687-111852152	0.084741	1
XLOC_023138	XLOC_023138	SLC2A6	chr9:136336215-136344276	0.0847501	0.999791
XLOC_000323	XLOC_000323	YBX1	chr1:43148065-43168020	0.0848023	0.999791
XLOC_002476	XLOC_002476	ADO	chr10:64564515-64568239	0.0848084	0.999791
XLOC_001732	XLOC_001732	CSDE1,NRAS	chr1:115247084-115300671	0.0848358	0.999791
XLOC_018330	XLOC_018330	RUNX2	chr6:44794466-45518819	0.0848559	0.999791
XLOC_018897	XLOC_018897	AARS2	chr6:44266462-44281063	0.0849132	0.999791
XLOC_022282	XLOC_022282	KDM4C	chr9:6720862-7175648	0.0849191	0.999791
XLOC_002659	XLOC_002659	PPRC1	chr10:103892786-103910090	0.0849253	0.999791
XLOC_007117	XLOC_007117	FAN1	chr15:31196054-31283807	0.0850034	0.999791
XLOC_009534	XLOC_009534	TOM1L2	chr17:17746821-17875784	0.0850057	0.999791
XLOC_015484	XLOC_015484	FAM131A	chr3:184053716-184079439	0.0850217	0.999791
XLOC_015978	XLOC_015978	COPB2	chr3:139076432-139108522	0.0850353	0.999791
XLOC_010694	XLOC_010694	IFI30	chr19:18284578-18288927	0.085076	0.999791
XLOC_020734	XLOC_020734	METTL2B	chr7:128116782-128142978	0.0851271	0.999791
XLOC_001537	XLOC_001537	SPATA6	chr1:48761043-48937876	0.085131	0.999791
XLOC_024034	XLOC_024034	NKRF	chrX:118722299-118739846	0.0851707	0.999791
XLOC_012164	XLOC_012164	PRKCE	chr2:45879042-46415129	0.0851742	0.999791
XLOC_003908	XLOC_003908	FAM118B	chr11:126081618-126138877	0.0852185	0.999791

XLOC_017145	XLOC_017145	NDUFAF2	chr5:60240955-60448864	0.0852232	0.999791
XLOC_012848	XLOC_012848	CCDC121	chr2:27848505-27917847	0.0852929	1
XLOC_022915	XLOC_022915	CDK20	chr9:90581358-90589695	0.0853343	0.999791
XLOC_006861	XLOC_006861	PLEK2	chr14:67853699-67878828	0.0853919	0.999791
XLOC_017123	XLOC_017123	MRPS30	chr5:44809026-44815618	0.0854078	0.999791
XLOC_003531	XLOC_003531	CCDC86	chr11:60609428-60623444	0.0854539	0.999791
XLOC_006054	XLOC_006054	SLC7A1	chr13:30083550-30169825	0.0855037	0.999791
XLOC_006018	XLOC_006018	GJA3	chr13:20712394-20735183	0.0856452	0.999791
XLOC_014954	XLOC_014954	MKRN2	chr3:12598512-12705700	0.0856565	0.999791
XLOC_024176	XLOC_024176	PNCK	chrX:152935187-152939816	0.0856869	1
XLOC_000896	XLOC_000896	CACYBP	chr1:174968570-174981163	0.0857213	0.999791
XLOC_015771	XLOC_015771	ACTR8	chr3:53901093-53916229	0.0857415	0.999791
XLOC_006646	XLOC_006646	KLC1	chr14:104095524-104181823	0.0858165	0.999791
XLOC_014766	XLOC_014766	SEC14L4	chr22:30884897-30901698	0.0858218	0.999791
XLOC_014242	XLOC_014242	BTG3	chr21:18965967-18985268	0.0858883	0.999791
XLOC_000296	XLOC_000296	AKIRIN1	chr1:39456915-39471737	0.0859027	0.999791
XLOC_008204	XLOC_008204	NFAT5	chr16:69599868-69738569	0.085932	0.999791
XLOC_008555	XLOC_008555	VPS35	chr16:46693588-46723144	0.0859477	0.999791
XLOC_015124	XLOC_015124	RBM15B	chr3:51428698-51534018	0.0859602	0.999791
XLOC_011685	XLOC_011685	ADCK4	chr19:41197433-41222790	0.0860875	0.999791
XLOC_016034	XLOC_016034	LXN	chr3:158362316-158410360	0.0861268	0.999791
XLOC_012545	XLOC_012545	DNAJC10	chr2:183580767-183644750	0.0862265	0.999791
XLOC_020752	XLOC_020752	KLHDC10	chr7:129710348-129775560	0.0862675	0.999791
XLOC_010141	XLOC_010141	SNRPD1	chr18:19192259-19210208	0.0863923	0.999791
XLOC_008058	XLOC_008058	LOC100862671	chr16:30751511-30756517	0.0863982	0.999791
XLOC_001260	XLOC_001260	CASZ1	chr1:10696665-10856733	0.0864007	0.999791
XLOC_022607	XLOC_022607	TOR1B	chr9:132565431-132573560	0.0864039	0.999791
XLOC_001396	XLOC_001396	SNORA61	chr1:28879528-28908366	0.0864388	0.999791
XLOC_007777	XLOC_007777	AP3S2,C15orf38,C15orf38-AP3S2	chr15:90373830-90456222	0.0864735	0.999791
XLOC_023669	XLOC_023669	MTM1	chrX:149737046-149841616	0.086507	0.999791
XLOC_015800	XLOC_015800	PSMD6	chr3:63989697-64009686	0.0866323	0.999791
XLOC_006288	XLOC_006288	DHRS4	chr14:24407939-24438488	0.0866381	0.999791
XLOC_006301	XLOC_006301	GMPR2	chr14:24701647-24708447	0.0867197	0.999791
XLOC_012756	XLOC_012756	ING5	chr2:242641455-242668896	0.0867961	0.999791
XLOC_009520	XLOC_009520	CENPV	chr17:16245847-16256812	0.0868024	0.999791
XLOC_017055	XLOC_017055	EXOC3	chr5:443333-467409	0.0868102	0.999791
XLOC_023349	XLOC_023349	UBA1	chrX:47050198-47074527	0.0869565	0.999791
XLOC_017665	XLOC_017665	MIER3	chr5:56205086-56247954	0.0869754	0.999791
XLOC_012346	XLOC_012346	SLC9A2	chr2:103236165-103327809	0.0869887	1
XLOC_020992	XLOC_020992	FKBP14	chr7:30050198-30066417	0.0870148	0.999791
XLOC_004807	XLOC_004807	IRAK4	chr12:44152746-44183346	0.08705	0.999791
XLOC_022240	XLOC_022240	CPSF1	chr8:145597730-145634733	0.087061	0.999791
XLOC_010128	XLOC_010128	PSMG2	chr18:12658737-12725739	0.08709	0.999791
XLOC_009598	XLOC_009598	CRLF3	chr17:29109701-291151778	0.0871203	0.999791
XLOC_001976	XLOC_001976	NR1I3	chr1:161195832-161208000	0.0871223	0.999791
XLOC_012400	XLOC_012400	DDX18	chr2:118572254-118589953	0.0871264	0.999791
XLOC_002941	XLOC_002941	CSTF2T	chr10:52750910-54073888	0.0871284	0.999791
XLOC_000641	XLOC_000641	PEX11B	chr1:145516164-145523732	0.0871425	0.999791
XLOC_014788	XLOC_014788	LARGE	chr22:33669061-34316416	0.0871666	0.999791
XLOC_014115	XLOC_014115	JAM2	chr21:27011593-27089874	0.0871694	1
XLOC_020772	XLOC_020772	C7orf73	chr7:135347220-135361160	0.0871968	0.999791
XLOC_003087	XLOC_003087	COX15	chr10:101419262-101515894	0.0872534	0.999791
XLOC_017066	XLOC_017066	KIAA0947	chr5:5422785-5490347	0.0872713	0.999791
XLOC_010029	XLOC_010029	LINC00482	chr17:79276623-79283048	0.0873078	1
XLOC_014777	XLOC_014777	E1F4ENF1	chr22:31835344-31885874	0.0873085	0.999791
XLOC_009765	XLOC_009765	MPP3	chr17:41878166-41910547	0.087398	0.999791
XLOC_021595	XLOC_021595	LYN	chr8:56792385-56925006	0.0874405	0.999791
XLOC_012471	XLOC_012471	FMNL2	chr2:153191750-153506348	0.0874792	0.999791
XLOC_008455	XLOC_008455	THUMPD1	chr16:20744988-20753199	0.0874869	0.999791
XLOC_020358	XLOC_020358	CCZ1	chr7:5938340-5965603	0.0875529	0.999791
XLOC_022786	XLOC_022786	BAG1	chr9:33252469-33264759	0.0875889	0.999791
XLOC_008567	XLOC_008567	BRD7	chr16:50352928-50402845	0.0876524	0.999791
XLOC_007534	XLOC_007534	ZFP106	chr15:42705020-42749730	0.0876733	0.999791
XLOC_006297	XLOC_006297	RNF31	chr14:24616658-24629870	0.0876843	0.999791
XLOC_017493	XLOC_017493	MSX2	chr5:174151574-174157902	0.0877064	0.999791
XLOC_001866	XLOC_001866	RAB13	chr1:153954092-153958853	0.087707	0.999791
XLOC_021089	XLOC_021089	GTF2IRD1P1	chr7:66205642-66309813	0.0877313	0.999791
XLOC_004848	XLOC_004848	LETMD1	chr12:51442081-51454207	0.0878666	0.999791
XLOC_001119	XLOC_001119	GPR137B	chr1:236305831-236372209	0.0879173	0.999791
XLOC_018648	XLOC_018648	LOC100130357	chr6:12717036-13295818	0.0879357	1
XLOC_021105	XLOC_021105	TBL2	chr7:72983276-72993013	0.0879963	0.999791
XLOC_012816	XLOC_012816	SF3B14	chr2:24290453-24293913	0.0880004	0.999791
XLOC_017325	XLOC_017325	SEC24A	chr5:133984474-134063601	0.0880559	0.999791
XLOC_017103	XLOC_017103	DNAJC21	chr5:34929697-34959069	0.0880906	0.999791
XLOC_023100	XLOC_023100	TRUB2	chr9:131071395-131084697	0.0881228	0.999791
XLOC_000536	XLOC_000536	CDC14A	chr1:100818022-100985833	0.0883116	0.999791
XLOC_011099	XLOC_011099	ZNF761	chr19:53935226-53961515	0.0883491	0.999791
XLOC_013736	XLOC_013736	RBM38	chr20:55904830-55998278	0.0883549	0.999791
XLOC_012519	XLOC_012519	CDCA7	chr2:174219560-174233718	0.088357	0.999791

XLOC_006450	XLOC_006450	DLST	chr14:75348593-75370450	0.0883842	0.999791
XLOC_010055	XLOC_010055	FASN	chr17:80036213-80056106	0.0884225	0.999791
XLOC_018406	XLOC_018406	ORC3	chr6:88299784-88371712	0.0884645	0.999791
XLOC_001296	XLOC_001296	EPHA2	chr1:16450831-16482582	0.0884775	0.999791
XLOC_004879	XLOC_004879	HOXC11	chr12:54356091-54370203	0.0885539	0.999791
XLOC_011032	XLOC_011032	PRR12	chr19:50094911-50129696	0.0886534	0.999791
XLOC_020634	XLOC_020634	ZSCAN25	chr7:99214570-99230030	0.0887011	0.999791
XLOC_013643	XLOC_013643	VSTM2L	chr20:36531498-36573747	0.0887139	1
XLOC_017663	XLOC_017663	IL6ST	chr5:55230924-55290821	0.0887194	0.999791
XLOC_022975	XLOC_022975	ANKS6	chr9:101494290-101558794	0.0887687	0.999791
XLOC_014008	XLOC_014008	ELMO2	chr20:44994689-45035271	0.0887704	0.999791
XLOC_007154	XLOC_007154	VPS18	chr15:41186627-41196173	0.0887724	0.999791
XLOC_006191	XLOC_006191	STK24	chr13:99102454-99229396	0.0889167	0.999791
XLOC_011565	XLOC_011565	ZNF708	chr19:21473962-21512212	0.0889179	0.999791
XLOC_008082	XLOC_008082	ZNF267	chr16:31885078-31928629	0.0889187	0.999791
XLOC_014560	XLOC_014560	TOMM22	chr22:39077953-39080766	0.0889767	0.999791
XLOC_009732	XLOC_009732	LEPREL4	chr17:39958204-39968451	0.0889927	0.999791
XLOC_016328	XLOC_016328	PAICS	chr4:57301914-57327534	0.0890063	0.999791
XLOC_021992	XLOC_021992	ATP6V1H	chr8:54628102-54755871	0.0890443	0.999791
XLOC_006762	XLOC_006762	SPTSSA	chr14:34902143-34931468	0.0890456	0.999791
XLOC_005162	XLOC_005162	HIP1R	chr12:123320038-123347507	0.0890896	0.999791
XLOC_004979	XLOC_004979	MDM2	chr12:69201970-69239320	0.0891035	0.999791
XLOC_021386	XLOC_021386	ZNF777	chr7:149128453-149158053	0.0891583	0.999791
XLOC_005346	XLOC_005346	LDHB	chr12:21788274-21810789	0.0891894	0.999791
XLOC_015455	XLOC_015455	PIK3CA	chr3:178866310-178952497	0.0892008	0.999791
XLOC_016460	XLOC_016460	RPL34	chr4:109541721-109551639	0.0892224	0.999791
XLOC_016522	XLOC_016522	ABCE1	chr4:145915726-146050676	0.0893089	0.999791
XLOC_005529	XLOC_005529	ATP5B	chr12:57031958-57039852	0.0893873	0.999791
XLOC_001336	XLOC_001336	EIF4G3	chr1:21132784-21503381	0.0893875	0.999791
XLOC_005398	XLOC_005398	SCAF11	chr12:46312913-46384401	0.089574	0.999791
XLOC_015104	XLOC_015104	TCTA	chr3:49449638-49453909	0.0896483	0.999791
XLOC_010755	XLOC_010755	C19orf40	chr19:33463147-33467960	0.0896621	0.999791
XLOC_007963	XLOC_007963	PKD1P1	chr16:16411465-16444465	0.0896779	0.999791
XLOC_018116	XLOC_018116	HMGNA4	chr6:26538571-26547164	0.0898019	0.999791
XLOC_001437	XLOC_001437	LOC653160	chr1:35441299-35444307	0.0898419	0.999791
XLOC_010545	XLOC_010545	LRRC8E	chr19:7953389-7969809	0.0899981	0.999791
XLOC_008514	XLOC_008514	CD2BP2	chr16:30362086-30366682	0.0899945	0.999791
XLOC_017683	XLOC_017683	TAF9	chr5:68647552-68710630	0.0900234	0.999791
XLOC_017031	XLOC_017031	LRP2BP	chr4:186131283-186300152	0.0900785	0.999791
XLOC_001419	XLOC_001419	PTP4A2	chr1:32372021-32403988	0.0901101	0.999791
XLOC_023335	XLOC_023335	DDX3X	chrX:41192650-41209524	0.0901144	0.999791
XLOC_016835	XLOC_016835	LOC100506746	chr4:87846045-87856002	0.0901508	0.999791
XLOC_018429	XLOC_018429	PRDM1	chr6:106534194-106557814	0.0902103	1
XLOC_009563	XLOC_009563	LYRM9	chr17:26205339-26220409	0.0902152	0.999791
XLOC_006087	XLOC_006087	FOXO1	chr13:41129800-41240734	0.09023	0.999791
XLOC_003171	XLOC_003171	CUZD1,FAM24B	chr10:124591670-124658230	0.0903417	0.999791
XLOC_004778	XLOC_004778	FGFR1OP2	chr12:27091304-27119581	0.0903656	0.999791
XLOC_021426	XLOC_021426	ZNF596	chr8:158344-197339	0.0903704	0.999791
XLOC_015481	XLOC_015481	PSMD2	chr3:184017021-184026840	0.0904102	0.999791
XLOC_021326	XLOC_021326	SLC35B4	chr7:133974089-134001827	0.0904596	0.999791
XLOC_005864	XLOC_005864	SLC25A15	chr13:41363546-41495910	0.0905356	0.999791
XLOC_023008	XLOC_023008	KIAA0368	chr9:114122972-114247025	0.0905415	0.999791
XLOC_008395	XLOC_008395	CORO7,CORO7-PAM16,PAM16	chr16:4390251-4466962	0.0906206	0.999791
XLOC_020540	XLOC_020540	WBSCR22	chr7:73097897-73112551	0.0906233	0.999791
XLOC_004913	XLOC_004913	TMEM198B	chr12:56211805-56236767	0.0906517	0.999791
XLOC_001364	XLOC_001364	SYF2	chr1:25548766-25559013	0.0906679	0.999791
XLOC_017675	XLOC_017675	SREK1IP1	chr5:63986134-64064496	0.0906681	0.999791
XLOC_002345	XLOC_002345	SEC61A2	chr10:12171639-12292589	0.0906807	0.999791
XLOC_022888	XLOC_022888	C9orf41	chr9:77597872-77643310	0.0907291	0.999791
XLOC_013394	XLOC_013394	CUL3	chr2:225334866-225450114	0.0907711	0.999791
XLOC_015444	XLOC_015444	SKIL	chr3:170075472-170114637	0.0907951	0.999791
XLOC_006429	XLOC_006429	DCAF4	chr14:73393039-73426357	0.0908151	0.999791
XLOC_008736	XLOC_008736	CENPBD1	chr16:90036182-90067195	0.0908378	0.999791
XLOC_013803	XLOC_013803	TBC1D20	chr20:416123-443187	0.0908724	0.999791
XLOC_006435	XLOC_006435	ACOT2	chr14:74034323-74042362	0.0909209	0.999791
XLOC_001354	XLOC_001354	HMGCL	chr1:24128366-24151949	0.0909899	0.999791
XLOC_019120	XLOC_019120	HIVEP2	chr6:143072603-143266338	0.0909989	0.999791
XLOC_002997	XLOC_002997	PPP3CB	chr10:75196562-75255782	0.0910034	0.999791
XLOC_013407	XLOC_013407	SLC16A14	chr2:230899689-230933715	0.0910312	0.999791
XLOC_006799	XLOC_006799	METTL21D	chr14:50575349-50583297	0.0910595	0.999791
XLOC_006641	XLOC_006641	EIF5	chr14:103800338-103811361	0.0911558	0.999791
XLOC_008926	XLOC_008926	KSR1	chr17:25799035-25950718	0.0911879	1
XLOC_003497	XLOC_003497	CTNND1,TMX2	chr11:57479994-57586652	0.0911936	0.999791
XLOC_021962	XLOC_021962	PPAPDC1B	chr8:38120649-38126738	0.0911987	0.999791
XLOC_014715	XLOC_014715	GUSBP11	chr22:23980674-24059610	0.0912458	0.999791
XLOC_022771	XLOC_022771	LINC00032	chr9:27245681-27282791	0.0912766	1
XLOC_014704	XLOC_014704	PPM1F	chr22:22273791-22307250	0.0912872	0.999791
XLOC_001755	XLOC_001755	ANKRD20A12P	chr1:142697420-142713605	0.0913572	0.999791
XLOC_011705	XLOC_011705	ERF	chr19:42751716-42759309	0.0914282	0.999791

XLOC_004695	XLOC_004695	EMG1	chr12:7079943-7085165	0.0915461	0.999791
XLOC_021225	XLOC_021225	NAT16	chr7:100813773-100823557	0.0915746	0.999791
XLOC_003086	XLOC_003086	SLC25A28	chr10:101370274-101380221	0.0917656	0.999791
XLOC_017146	XLOC_017146	ZSWIM6	chr5:60628099-60841999	0.0917924	0.999791
XLOC_011915	XLOC_011915	ZNF616	chr19:52617652-52643191	0.0918278	0.999791
XLOC_006995	XLOC_006995	CDCA4	chr14:105475909-105487425	0.0918473	0.999791
XLOC_013983	XLOC_013983	TOMM34	chr20:43570770-43589114	0.0918969	0.999791
XLOC_000823	XLOC_000823	PPOX	chr1:161136180-161141010	0.0918981	0.999791
XLOC_015523	XLOC_015523	HES1	chr3:193853930-193856401	0.0919194	0.999791
XLOC_002629	XLOC_002629	PI4K2A	chr10:99400442-99436187	0.0919679	0.999791
XLOC_016910	XLOC_016910	FLJ14186	chr4:120326677-120331815	0.0919775	0.999791
XLOC_020955	XLOC_020955	CDCA7L	chr7:21582832-21985542	0.0920409	0.999791
XLOC_015108	XLOC_015108	RNF123	chr3:49726949-49761384	0.092073	0.999791
XLOC_015179	XLOC_015179	KBTBD8	chr3:67048726-67061632	0.092073	0.999791
XLOC_020466	XLOC_020466	DBNL	chr7:44084238-44101315	0.0920954	0.999791
XLOC_017952	XLOC_017952	SH3PXD2B	chr5:171760502-171881527	0.0921077	0.999791
XLOC_003228	XLOC_003228	TMEM80	chr11:644224-705028	0.0921139	0.999791
XLOC_007486	XLOC_007486	KATNBL1	chr15:34432874-34502297	0.0921496	0.999791
XLOC_016920	XLOC_016920	BBS7	chr4:122745483-122791652	0.0921548	0.999791
XLOC_012752	XLOC_012752	SEPT2	chr2:242166681-242293441	0.0922319	0.999791
XLOC_017507	XLOC_017507	UNC5A	chr5:176237559-176326333	0.0922644	0.999791
XLOC_021673	XLOC_021673	FAM92A1	chr8:94712772-94740671	0.092359	0.999791
XLOC_007977	XLOC_007977	LOC81691	chr16:20775311-20860990	0.0923819	0.999791
XLOC_016517	XLOC_016517	USP38	chr4:144106069-144143141	0.0923877	0.999791
XLOC_005397	XLOC_005397	LOC400027	chr12:46119502-46121704	0.0923891	0.999791
XLOC_015727	XLOC_015727	MON1A	chr3:49946301-49967445	0.0924552	0.999791
XLOC_013351	XLOC_013351	PECR	chr2:216903110-216946539	0.0924836	0.999791
XLOC_000277	XLOC_000277	ZMYM4	chr1:35734567-35887545	0.0924926	0.999791
XLOC_015192	XLOC_015192	LOC401074	chr3:75721431-75728454	0.0924927	1
XLOC_002993	XLOC_002993	MRPS16	chr10:75007124-75118617	0.0925933	0.999791
XLOC_007899	XLOC_007899	CLDN9	chr16:3062456-3064506	0.0926011	1
XLOC_002411	XLOC_002411	LOC399744	chr10:38717073-38741081	0.0926076	0.999791
XLOC_003620	XLOC_003620	EHBP1L1	chr1:65343508-65360116	0.0926511	0.999791
XLOC_007148	XLOC_007148	CASC5	chr15:40886446-40954881	0.0926599	0.999791
XLOC_004345	XLOC_004345	ZDHHC24	chr1:66306734-66313671	0.092695	0.999791
XLOC_016523	XLOC_016523	SMAD1	chr4:146402950-146480325	0.0927231	0.999791
XLOC_009640	XLOC_009640	ACACA	chr17:35441926-35766902	0.0927579	0.999791
XLOC_002871	XLOC_002871	MTPAP	chr10:30598729-30638267	0.0927694	0.999791
XLOC_015661	XLOC_015661	LIMD1-AS1	chr3:45636322-45730374	0.0927829	0.999791
XLOC_001798	XLOC_001798	ANP32E	chr1:150190716-150208504	0.0928003	0.999791
XLOC_022523	XLOC_022523	C9orf91	chr9:117373705-117408703	0.092803	0.999791
XLOC_002655	XLOC_002655	DPDC	chr10:103348088-103369410	0.0928074	0.999791
XLOC_007453	XLOC_007453	NIPA1	chr15:23043278-23086843	0.0928521	0.999791
XLOC_008433	XLOC_008433	RRN3	chr16:15153878-15188158	0.0929059	0.999791
XLOC_008302	XLOC_008302	ZNF276	chr16:89773540-89883065	0.0929373	0.999791
XLOC_010112	XLOC_010112	NDUFV2	chr18:9102627-9134343	0.0929502	0.999791
XLOC_004169	XLOC_004169	ACP2	chr1:47260852-47290584	0.092958	0.999791
XLOC_000871	XLOC_000871	GORAB	chr1:170501262-170522974	0.0929582	0.999791
XLOC_004462	XLOC_004462	SNORA25	chr11:93463680-93463812	0.0929657	0.999791
XLOC_008696	XLOC_008696	MPHOSPH6	chr16:82181766-82203829	0.0929868	0.999791
XLOC_001767	XLOC_001767	NUDT17	chr1:145575987-145589435	0.0930481	0.999791
XLOC_018853	XLOC_018853	KCNK5	chr6:39156746-39197251	0.0930719	0.999791
XLOC_015716	XLOC_015716	AMT,NICN1	chr3:49454210-49466757	0.0930888	0.999791
XLOC_017102	XLOC_017102	BRIX1	chr5:34915819-34925787	0.0931173	0.999791
XLOC_021192	XLOC_021192	FAM200A	chr7:99143922-99149757	0.0931186	0.999791
XLOC_011813	XLOC_011813	NTN5	chr19:49141271-49185502	0.093123	0.999791
XLOC_010100	XLOC_010100	DLGAP1-AS1	chr18:3496029-4455266	0.0931397	0.999791
XLOC_010671	XLOC_010671	USE1	chr19:17326154-17330638	0.0931856	0.999791
XLOC_021403	XLOC_021403	SMARCD3	chr7:150936058-150974231	0.0932699	0.999791
XLOC_017419	XLOC_017419	PPARGC1B	chr5:149109814-149234585	0.0932731	0.999791
XLOC_013535	XLOC_013535	SNRPB2	chr20:16710608-16722417	0.0932737	0.999791
XLOC_009072	XLOC_009072	COASY	chr17:40714091-40718299	0.0934367	0.999791
XLOC_006764	XLOC_006764	SNX6	chr14:35030617-35099366	0.0934723	0.999791
XLOC_008978	XLOC_008978	ZNF207	chr17:30677127-30697468	0.0935007	0.999791
XLOC_022289	XLOC_022289	CNTLN	chr9:17135037-17503917	0.0935754	0.999791
XLOC_008698	XLOC_008698	MBTPS1	chr16:84087368-84150517	0.0935792	0.999791
XLOC_008656	XLOC_008656	VAC14	chr16:70721341-70835061	0.0935896	0.999791
XLOC_022522	XLOC_022522	ATP6V1G1	chr9:117349993-117361152	0.0936196	0.999791
XLOC_001723	XLOC_001723	RSBN1	chr1:114304453-114355070	0.0936674	0.999791
XLOC_005794	XLOC_005794	GOLGA3	chr12:133345494-133405426	0.0936843	0.999791
XLOC_011899	XLOC_011899	SIGLEC10	chr19:51913274-51921057	0.0936925	1
XLOC_022092	XLOC_022092	RBM12B	chr8:94743730-94753224	0.09371	0.999791
XLOC_000595	XLOC_000595	CTTNBP2NL	chr1:112938799-113003786	0.0937127	0.999791
XLOC_016148	XLOC_016148	NCPB2	chr3:196662272-196669464	0.0937171	0.999791
XLOC_012586	XLOC_012586	CASP10	chr2:202047620-202094129	0.0938592	0.999791
XLOC_000268	XLOC_000268	ZSCAN20	chr1:33938231-33961995	0.0938712	1
XLOC_004528	XLOC_004528	TIMM8B	chr1:111944967-111957522	0.093915	0.999791
XLOC_016958	XLOC_016958	NR3C2	chr4:148999914-149363672	0.0939284	1
XLOC_024075	XLOC_024075	LOC286467	chrX:130836677-130964671	0.0940234	0.999791

XLOC_005709	XLOC_005709	RPL6	chr12:112842993-112847443	0.0940397	0.999791
XLOC_022842	XLOC_022842	LOC100289137	chr9:38540563-38545369	0.0940842	0.999791
XLOC_016181	XLOC_016181	SH3BP2	chr4:2794749-2842823	0.0941015	0.999791
XLOC_015443	XLOC_015443	PRKCI	chr3:169940219-170023770	0.0942036	0.999791
XLOC_004068	XLOC_004068	LOC440028	chr11:9776316-10315754	0.0942246	0.999791
XLOC_002417	XLOC_002417	CSGALNACT2	chr10:43633892-43680754	0.0942681	0.999791
XLOC_004031	XLOC_004031	PRKCDDBP	chr11:6340175-6341740	0.0942829	0.999791
XLOC_001211	XLOC_001211	NADK	chr1:1682670-1711508	0.0943222	0.999791
XLOC_020627	XLOC_020627	ARPC1B	chr7:98972297-99006305	0.0943337	0.999791
XLOC_013553	XLOC_013553	NAA20	chr20:19997933-20014273	0.0944166	0.999791
XLOC_010815	XLOC_010815	ZNF382	chr19:37096206-37119499	0.0944279	1
XLOC_007568	XLOC_007568	COPS2	chr15:49417470-49447854	0.0944675	0.999791
XLOC_015461	XLOC_015461	TTC14	chr3:180319917-180328918	0.0944696	0.999791
XLOC_020519	XLOC_020519	ASL	chr7:65540775-65558329	0.0944928	0.999791
XLOC_002192	XLOC_002192	RAB3GAP2	chr1:220321609-220445843	0.0945677	0.999791
XLOC_008056	XLOC_008056	SRCAP	chr16:30710461-30751450	0.0946047	0.999791
XLOC_006665	XLOC_006665	MTA1	chr14:105886185-105937057	0.0946197	0.999791
XLOC_012345	XLOC_012345	SLC9A4	chr2:103089761-103150431	0.0946307	1
XLOC_022082	XLOC_022082	NBN	chr8:90945563-90966899	0.0946691	0.999791
XLOC_010044	XLOC_010044	ALYREF	chr17:79845710-79849462	0.0947004	0.999791
XLOC_020907	XLOC_020907	GNA12	chr7:2767740-2883959	0.0947306	0.999791
XLOC_009407	XLOC_009407	C17orf85	chr17:3710044-3749345	0.0947498	0.999791
XLOC_002816	XLOC_002816	NUDT5	chr10:12171639-12292589	0.0947613	0.999791
XLOC_006098	XLOC_006098	CCDC122	chr13:44410488-44468068	0.0948068	0.999791
XLOC_006731	XLOC_006731	PSME2	chr14:24612573-24615855	0.0948111	0.999791
XLOC_021801	XLOC_021801	ADCK5	chr8:145597730-145634733	0.0948223	0.999791
XLOC_005097	XLOC_005097	FAM216A	chr12:110890290-110928192	0.0948628	0.999791
XLOC_008162	XLOC_008162	CA7	chr16:66878281-66888049	0.0948785	1
XLOC_007895	XLOC_007895	FLYWCH1	chr16:2961979-3001209	0.0948893	0.999791
XLOC_020628	XLOC_020628	BUD31	chr7:99006600-99063824	0.0949167	0.999791
XLOC_016456	XLOC_016456	SGMS2	chr4:108745720-108836204	0.0949184	0.999791
XLOC_014607	XLOC_014607	TSPO	chr22:43547519-43559248	0.095026	0.999791
XLOC_000267	XLOC_000267	ZNF362	chr1:33722173-33766320	0.0950723	0.999791
XLOC_006395	XLOC_006395	MTHFD1	chr14:64854758-64926725	0.0950756	0.999791
XLOC_018125	XLOC_018125	ZNF391	chr6:27356523-27369227	0.0951199	0.999791
XLOC_002188	XLOC_002188	EPRS	chr1:220046618-220321383	0.0951358	0.999791
XLOC_006890	XLOC_006890	ABCD4	chr14:74751979-74769767	0.095158	0.999791
XLOC_013235	XLOC_013235	OLA1	chr2:174937174-175113365	0.0951904	0.999791
XLOC_000635	XLOC_000635	NBPF10	chr1:145293370-145368684	0.095204	1
XLOC_018638	XLOC_018638	SLC35B3	chr6:8413300-8435794	0.0952284	0.999791
XLOC_011255	XLOC_011255	WASH5P	chr19:60950-70966	0.0952739	0.999791
XLOC_000640	XLOC_000640	RBM8A	chr1:145507556-145516076	0.0952792	0.999791
XLOC_011195	XLOC_011195	U2AF2	chr19:56165415-56186082	0.0953759	0.999791
XLOC_004815	XLOC_004815	PFKM	chr12:48436680-48540187	0.0953986	0.999791
XLOC_013340	XLOC_013340	LANCL1	chr2:211295972-211341499	0.0954644	0.999791
XLOC_001268	XLOC_001268	MTHFR	chr1:11845786-11907840	0.0955104	0.999791
XLOC_002722	XLOC_002722	GRK5	chr10:120967196-121215131	0.0955208	0.999791
XLOC_023161	XLOC_023161	QSOX2	chr9:139098181-139137687	0.0955681	0.999791
XLOC_005086	XLOC_005086	UNG	chr12:109535398-109548798	0.0955812	0.999791
XLOC_008038	XLOC_008038	MVP_PAGR1	chr16:29827527-29859360	0.0956256	0.999791
XLOC_014855	XLOC_014855	TNFRSF13C	chr22:42321035-42322821	0.0956901	0.999791
XLOC_006302	XLOC_006302	NOP9	chr14:24769097-24774374	0.0957301	0.999791
XLOC_010749	XLOC_010749	ZNF507	chr19:32836513-32878573	0.0957673	0.999791
XLOC_015221	XLOC_015221	CMSS1	chr3:99273152-99897476	0.0957971	0.999791
XLOC_006845	XLOC_006845	HIF1A-AS2	chr14:62162118-62215807	0.0959822	0.999791
XLOC_007157	XLOC_007157	CHP1	chr15:41523436-41574083	0.0960089	0.999791
XLOC_009903	XLOC_009903	SMARCD2	chr17:61909440-61920351	0.0960458	0.999791
XLOC_010709	XLOC_010709	ARMC6	chr19:19144386-19168987	0.0961403	0.999791
XLOC_014848	XLOC_014848	TOB2	chr22:41829491-41843027	0.0961437	0.999791
XLOC_012512	XLOC_012512	HAT1	chr2:172778934-172848600	0.0962262	0.999791
XLOC_023849	XLOC_023849	GRIPAP1	chrX:48830133-48858675	0.0962402	0.999791
XLOC_017657	XLOC_017657	CCNO	chr5:54526980-54529508	0.0962579	0.999791
XLOC_017261	XLOC_017261	STARD4-AS1	chr5:110834021-111353003	0.0963417	1
XLOC_019098	XLOC_019098	AHI1	chr6:135605109-135818903	0.096354	0.999791
XLOC_005827	XLOC_005827	RASL11A	chr13:27844463-27847827	0.0964447	0.999791
XLOC_008097	XLOC_008097	PAPD5	chr16:50186828-50269219	0.0965045	0.999791
XLOC_023908	XLOC_023908	LAS1L	chrX:64732461-64754686	0.0965433	0.999791
XLOC_017615	XLOC_017615	C5orf42	chr5:37106329-37249530	0.0965573	1
XLOC_010958	XLOC_010958	PPP5C	chr19:46850250-46894232	0.0965707	0.999791
XLOC_002883	XLOC_002883	FZD8	chr10:35927176-35930362	0.0966709	0.999791
XLOC_001412	XLOC_001412	SNRNP40	chr1:31732414-31769644	0.0966926	0.999791
XLOC_014849	XLOC_014849	PHF5A	chr22:41855720-41864708	0.0967441	0.999791
XLOC_001694	XLOC_001694	PSMA5	chr1:109941652-109969108	0.0969174	0.999791
XLOC_012470	XLOC_012470	RIF1	chr2:152266396-152333860	0.0969433	0.999791
XLOC_006210	XLOC_006210	KDELC1	chr13:103436630-103528351	0.0969441	0.999791
XLOC_003951	XLOC_003951	SLC25A22	chr11:790474-798269	0.097008	0.999791
XLOC_012131	XLOC_012131	TTC27	chr2:32853086-33046118	0.0970164	0.999791
XLOC_021341	XLOC_021341	ZC3HAV1L	chr7:138710451-138720775	0.097026	0.999791
XLOC_006438	XLOC_006438	DNAL1	chr14:74111577-74170431	0.0970379	0.999791

XLOC_015596	XLOC_015596	HACL1	chr3:15602239-15643130	0.0970413	0.999791
XLOC_008559	XLOC_008559	NETO2	chr16:47115430-47177936	0.0970787	0.999791
XLOC_008807	XLOC_008807	ELP5	chr17:7155371-7166512	0.0970809	0.999791
XLOC_004562	XLOC_004562	IFT46	chr11:118401802-118436791	0.0972247	0.999791
XLOC_015999	XLOC_015999	TM4SF1	chr3:149086804-149095568	0.0973069	0.999791
XLOC_001102	XLOC_001102	ARV1	chr1:231114822-231136479	0.0974014	0.999791
XLOC_015328	XLOC_015328	IFT122	chr3:129149786-129239191	0.0974177	0.999791
XLOC_007452	XLOC_007452	NIPA2	chr15:23004683-23034427	0.0974468	0.999791
XLOC_013250	XLOC_013250	NFE2L2	chr2:178095030-178129859	0.0975437	0.999791
XLOC_010480	XLOC_010480	NCLN	chr19:3185874-3209573	0.0976113	0.999791
XLOC_006228	XLOC_006228	PCID2	chr13:113831852-113863029	0.0976657	0.999791
XLOC_016679	XLOC_016679	FBXL5	chr4:15606006-15657035	0.0977739	0.999791
XLOC_003979	XLOC_003979	NAP1L4	chr11:2965659-3013607	0.0978037	0.999791
XLOC_014602	XLOC_014602	LOC388906	chr22:42665758-42670868	0.0978621	1
XLOC_001070	XLOC_001070	FBXO28	chr1:224301788-224349749	0.0978651	0.999791
XLOC_016852	XLOC_016852	EIF4E	chr4:99799606-99851786	0.0978741	0.999791
XLOC_011681	XLOC_011681	SERTAD1	chr19:40928408-40931932	0.0978947	0.999791
XLOC_004329	XLOC_004329	AP5B1	chr11:65541368-65548062	0.0979342	0.999791
XLOC_015949	XLOC_015949	PIK3R4	chr3:130397777-130465696	0.0979441	0.999791
XLOC_017836	XLOC_017836	CDC23	chr5:137514416-137549032	0.0979573	0.999791
XLOC_007556	XLOC_007556	SPG11	chr15:44829265-44955876	0.0979877	0.999791
XLOC_010028	XLOC_010028	SLC38A10	chr17:79218798-79269096	0.0980448	0.999791
XLOC_011034	XLOC_011034	BCL2L12	chr19:50162825-50177173	0.0980676	0.999791
XLOC_008639	XLOC_008639	SLC7A6OS	chr16:68298418-68344868	0.098102	0.999791
XLOC_011587	XLOC_011587	RHPN2	chr19:33469497-33558224	0.0981621	0.999791
XLOC_018442	XLOC_018442	FIG4	chr6:110012423-110146634	0.0981691	0.999791
XLOC_004496	XLOC_004496	DCUN1D5	chr11:102921412-102962944	0.0982121	0.999791
XLOC_010278	XLOC_010278	LINC00526	chr18:5236722-5238028	0.0982235	0.999791
XLOC_007989	XLOC_007989	POLR3E	chr16:22308695-22346424	0.098246	0.999791
XLOC_011444	XLOC_011444	ZNF20.ZNF625	chr19:12242167-12267546	0.0983401	0.999791
XLOC_006695	XLOC_006695	LINC00641	chr14:21668237-21675059	0.0983535	0.999791
XLOC_002466	XLOC_002466	UBE2D1	chr10:60094738-60130513	0.0984831	0.999791
XLOC_000034	XLOC_000034	RER1	chr1:2323213-2340410	0.0984971	0.999791
XLOC_009920	XLOC_009920	LOC146880	chr17:62745779-62778117	0.0985286	0.999791
XLOC_021343	XLOC_021343	LOC100129148	chr7:139025104-139112272	0.098552	0.999791
XLOC_012817	XLOC_012817	TP53I3	chr2:24300302-24308085	0.0986998	0.999791
XLOC_001902	XLOC_001902	UBQLN4	chr1:156005091-156023516	0.0988658	0.999791
XLOC_007502	XLOC_007502	MEIS2	chr15:37183221-37393500	0.0988978	0.999791
XLOC_007344	XLOC_007344	ARNT2	chr15:80696691-80890277	0.0989128	0.999791
XLOC_007390	XLOC_007390	ABHD2	chr15:89631380-89745591	0.098925	0.999791
XLOC_017079	XLOC_017079	ANKRD33B	chr5:10564434-10657928	0.0989541	0.999791
XLOC_017136	XLOC_017136	SKIV2L2	chr5:54603575-54830873	0.099076	0.999791
XLOC_005173	XLOC_005173	TCTN2	chr12:124155659-124192950	0.099079	0.999791
XLOC_016662	XLOC_016662	AFAP1	chr4:7755816-7941653	0.0991038	0.999791
XLOC_022482	XLOC_022482	ZNF189	chr9:104161162-104172942	0.0991656	0.999791
XLOC_021904	XLOC_021904	PHYHIP	chr8:22077215-22089851	0.0991825	1
XLOC_016808	XLOC_016808	CCNI	chr4:77969176-77997125	0.0992048	0.999791
XLOC_004308	XLOC_004308	CDC42BPG	chr11:64591661-64612041	0.0992876	1
XLOC_011008	XLOC_011008	RUVBL2	chr19:49497155-49519182	0.0993028	0.999791
XLOC_007310	XLOC_007310	PPCDC	chr15:75315926-75343067	0.0993201	0.999791
XLOC_024005	XLOC_024005	RIPPLY1	chrX:106143292-106174091	0.0993524	1
XLOC_014586	XLOC_014586	ZC3H7B	chr22:41697506-41756151	0.0993792	0.999791
XLOC_022450	XLOC_022450	LOC100132077	chr9:97094757-97123230	0.0994187	1
XLOC_001259	XLOC_001259	DFFA	chr1:10520602-10532613	0.0994548	0.999791
XLOC_011657	XLOC_011657	FBXO27	chr19:39514662-39523198	0.0994585	1
XLOC_010622	XLOC_010622	NACC1	chr19:13229101-13251961	0.0994998	0.999791
XLOC_021892	XLOC_021892	ASAH1	chr8:17913924-17942507	0.099502	0.999791
XLOC_005707	XLOC_005707	NAA25	chr12:112464492-112546635	0.0995204	0.999791
XLOC_010568	XLOC_010568	C19orf66	chr19:10196805-10213425	0.0995385	0.999791
XLOC_004044	XLOC_004044	OR2D2	chr11:6912804-6913731	0.0995615	1
XLOC_011499	XLOC_011499	AKAP8	chr19:15464331-15490612	0.0995894	0.999791
XLOC_008578	XLOC_008578	CRNDE	chr16:54952776-54963101	0.0996058	0.999791
XLOC_001237	XLOC_001237	ICMT	chr1:6266188-6296044	0.099648	0.999791
XLOC_010751	XLOC_010751	PDCD5	chr19:33072093-33078358	0.0996614	0.999791
XLOC_021264	XLOC_021264	THAP5	chr7:108202670-108210167	0.0996673	0.999791
XLOC_007932	XLOC_007932	ABAT	chr16:8768443-8878432	0.0996871	0.999791
XLOC_002414	XLOC_002414	BMS1	chr10:43277953-43330385	0.0997043	0.999791
XLOC_006702	XLOC_006702	METTL3	chr14:21945334-21979457	0.0997082	0.999791
XLOC_015961	XLOC_015961	RYK	chr3:133875977-133969586	0.099756	0.999791
XLOC_002967	XLOC_002967	SLC25A16	chr10:70242089-70287280	0.0997742	0.999791
XLOC_018982	XLOC_018982	SNHG5	chr6:86386724-86388451	0.0998069	0.999791
XLOC_011541	XLOC_011541	CERS1	chr19:18979360-19006953	0.0998302	1
XLOC_003011	XLOC_003011	ZNF503	chr10:77157602-77168740	0.0998317	0.999791
XLOC_000453	XLOC_000453	SRSF11	chr1:70671364-70717701	0.0998432	0.999791
XLOC_020894	XLOC_020894	COX19	chr7:1004485-1015235	0.0999564	0.999791
XLOC_011669	XLOC_011669	DYRK1B	chr19:40315989-40324841	0.100016	0.999791
XLOC_010625	XLOC_010625	MRI1	chr19:13875336-13885096	0.100028	0.999791
XLOC_013658	XLOC_013658	TOP1	chr20:39657461-39753126	0.100053	0.999791
XLOC_009166	XLOC_009166	RSAD1	chr17:48556189-48563336	0.100182	0.999791

XLOC_000170	XLOC_000170	EPHB2	chr1:23037330-23241823	0.100249	0.999791
XLOC_000998	XLOC_000998	TMCC2	chr1:205197037-205242471	0.100265	0.999791
XLOC_002517	XLOC_002517	GLUD1P3	chr10:75491298-75495367	0.100286	1
XLOC_012695	XLOC_012695	PSMD1	chr2:231921577-232037540	0.100292	0.999791
XLOC_006634	XLOC_006634	TECPR2	chr14:102829299-102968818	0.100323	0.999791
XLOC_023115	XLOC_023115	C9orf78	chr9:132589563-132597572	0.100328	0.999791
XLOC_012234	XLOC_012234	MPHOSPH10	chr2:71357443-71377232	0.100508	0.999791
XLOC_003070	XLOC_003070	PIK3AP1	chr10:98353068-98480279	0.100572	0.999791
XLOC_023438	XLOC_023438	ZXDB	chrX:57618268-57623910	0.100626	0.999791
XLOC_001301	XLOC_001301	CROCCP3	chr1:16793930-16819196	0.100687	1
XLOC_017767	XLOC_017767	EPB41L4A	chr5:111498314-111755010	0.100708	0.999791
XLOC_011234	XLOC_011234	ZNF776	chr19:58258163-58269527	0.100746	0.999791
XLOC_022243	XLOC_022243	VPS28	chr8:145648999-145653927	0.100784	0.999791
XLOC_017425	XLOC_017425	NDST1	chr5:149887673-149937773	0.100835	0.999791
XLOC_001627	XLOC_001627	MCOLN2	chr1:85391265-85462796	0.100861	0.999791
XLOC_003507	XLOC_003507	DTX4	chr11:58939811-58980494	0.100863	0.999791
XLOC_020556	XLOC_020556	GTF2IRD2B	chr7:74508346-74565623	0.100901	1
XLOC_020587	XLOC_020587	DMTF1	chr7:86781676-86849031	0.100922	0.999791
XLOC_013837	XLOC_013837	CENPB	chr20:3764497-3767337	0.100924	0.999791
XLOC_021956	XLOC_021956	BRF2	chr8:37654400-37707431	0.100996	0.999791
XLOC_022235	XLOC_022235	BOP1	chr8:145486055-145515120	0.101006	0.999791
XLOC_005954	XLOC_005954	MIR17,MIR17HG,MIR18A,MIR19A	chr13:92000073-92006829	0.101012	0.999791
XLOC_000843	XLOC_000843	UAP1	chr1:162531295-162569633	0.101039	0.999791
XLOC_017448	XLOC_017448	THG1L	chr5:157158322-157166772	0.101042	0.999791
XLOC_012837	XLOC_012837	SLC5A6	chr2:27422454-27440046	0.101089	0.999791
XLOC_011452	XLOC_011452	ZNF490	chr19:12686919-12721623	0.101103	0.999791
XLOC_009758	XLOC_009758	BRCA1	chr17:41196311-41277500	0.101125	0.999791
XLOC_016173	XLOC_016173	FGFR3	chr4:1795038-1810599	0.101226	0.999791
XLOC_011911	XLOC_011911	ZNF615	chr19:52494586-52511483	0.101275	0.999791
XLOC_022810	XLOC_022810	VCP	chr9:35056064-35072739	0.101294	0.999791
XLOC_007423	XLOC_007423	NR2F2	chr15:96869156-96883492	0.101326	0.999791
XLOC_013760	XLOC_013760	ADRM1	chr20:60878026-60883918	0.101368	0.999791
XLOC_021510	XLOC_021510	TNFRSF10C	chr8:22941867-22974950	0.101368	0.999791
XLOC_013872	XLOC_013872	DZANK1	chr20:18364010-18447829	0.101375	1
XLOC_013556	XLOC_013556	PLK1S1	chr20:21106623-21227258	0.101501	0.999791
XLOC_003577	XLOC_003577	NAA40	chr1:163706441-63724446	0.101542	0.999791
XLOC_020461	XLOC_020461	STK17A	chr7:43622691-43666978	0.101562	0.999791
XLOC_003615	XLOC_003615	MALAT1	chr11:65265232-65273939	0.10163	0.999791
XLOC_023941	XLOC_023941	FTX	chrX:73164158-73513409	0.10167	0.999791
XLOC_014967	XLOC_014967	NR2C2	chr3:14984285-15106816	0.10177	0.999791
XLOC_010707	XLOC_010707	UPF1	chr19:18942743-18979039	0.101938	0.999791
XLOC_012577	XLOC_012577	C2orf47	chr2:200793633-200828847	0.102111	0.999791
XLOC_007774	XLOC_007774	PEX11A	chr15:90224761-90234015	0.102145	0.999791
XLOC_010563	XLOC_010563	LOC284385	chr19:9732157-9745538	0.102184	0.999791
XLOC_000589	XLOC_000589	ATP5F1	chr1:111982511-112004525	0.102201	0.999791
XLOC_024169	XLOC_024169	CETN2	chrX:151995870-151999301	0.102253	0.999791
XLOC_007947	XLOC_007947	MKL2	chr16:14165195-14360630	0.102455	0.999791
XLOC_003408	XLOC_003408	C11orf74	chr11:36613492-36680817	0.102457	0.999791
XLOC_008336	XLOC_008336	CLCN7	chr16:1494933-1525085	0.10246	0.999791
XLOC_018553	XLOC_018553	ULBP1	chr6:150285142-150294846	0.102504	0.999791
XLOC_013804	XLOC_013804	CSNK2A1	chr20:463337-524482	0.102561	0.999791
XLOC_021430	XLOC_021430	CLN8	chr8:1711869-1734736	0.102567	0.999791
XLOC_007339	XLOC_007339	TMED3	chr15:79603490-79615189	0.102582	0.999791
XLOC_001202	XLOC_001202	CENL2	chr1:1321090-1334718	0.102595	0.999791
XLOC_015084	XLOC_015084	NBEAL2	chr3:46963230-47051194	0.102626	0.999791
XLOC_021748	XLOC_021748	MYC	chr8:128748314-128753680	0.102646	0.999791
XLOC_013392	XLOC_013392	SERPINE2	chr2:224839764-224904036	0.10266	0.999791
XLOC_006679	XLOC_006679	TTC5	chr14:20757300-20774153	0.102668	0.999791
XLOC_018987	XLOC_018987	RARS2	chr6:88224095-88299735	0.102802	0.999791
XLOC_014785	XLOC_014785	C22orf28	chr22:32783561-32808274	0.102806	0.999791
XLOC_009417	XLOC_009417	PELP1	chr17:4574678-4607632	0.102841	0.999791
XLOC_001597	XLOC_001597	DIRAS3	chr1:68167148-68698284	0.102877	1
XLOC_001228	XLOC_001228	WRAP73	chr1:3547330-3566671	0.102901	0.999791
XLOC_000686	XLOC_000686	C1orf56	chr1:151020258-151032125	0.102937	0.999791
XLOC_005486	XLOC_005486	RARG	chr12:53604349-53626040	0.103036	0.999791
XLOC_023884	XLOC_023884	PHF8	chrX:53963112-54071569	0.10307	0.999791
XLOC_018850	XLOC_018850	GLO1	chr6:38643701-38679952	0.103151	0.999791
XLOC_006031	XLOC_006031	SACS	chr13:23902964-24007841	0.103169	0.999791
XLOC_006848	XLOC_006848	PPP2R5E	chr14:63841354-64010079	0.103206	0.999791
XLOC_010608	XLOC_010608	ZNF788	chr19:12203077-12225494	0.103254	1
XLOC_006433	XLOC_006433	C14orf169	chr14:73945188-74025651	0.103318	0.999791
XLOC_005594	XLOC_005594	NAP1L1	chr12:76438671-76478738	0.103329	0.999791
XLOC_011245	XLOC_011245	A1BG-AS1	chr19:58858171-58874214	0.10334	1
XLOC_003898	XLOC_003898	SLC37A2	chr11:124933012-124960412	0.103347	1
XLOC_009464	XLOC_009464	FXR2	chr17:7494547-7536700	0.103359	0.999791
XLOC_015679	XLOC_015679	ELP6	chr3:47537129-47555199	0.103425	0.999791
XLOC_013067	XLOC_013067	LYG1	chr2:99900700-99917639	0.103438	0.999791
XLOC_011662	XLOC_011662	GMFG	chr19:39818998-39826726	0.103444	1
XLOC_023671	XLOC_023671	HMGGB3	chrX:150151762-150159248	0.103473	0.999791

XLOC_018781	XLOC_018781	DOM3Z	chr6:31937587-31949223	0.103586	0.999791
XLOC_012283	XLOC_012283	PTCD3	chr2:86333304-86369280	0.103591	0.999791
XLOC_015348	XLOC_015348	CDV3	chr3:133292433-133309118	0.103687	0.999791
XLOC_010589	XLOC_010589	SMARCA4	chr19:11071597-11172958	0.10369	0.999791
XLOC_020604	XLOC_020604	RBM48	chr7:92158086-92166823	0.103708	0.999791
XLOC_021594	XLOC_021594	TGS1	chr8:56651319-56738005	0.103787	0.999791
XLOC_008405	XLOC_008405	NAGPA	chr16:5074844-5092972	0.103812	0.999791
XLOC_021795	XLOC_021795	MROH1	chr8:145202918-145316843	0.103843	0.999791
XLOC_004369	XLOC_004369	SUV420H1	chr1:67923506-67980784	0.103897	0.999791
XLOC_015230	XLOC_015230	TRMT10C	chr3:101280679-101285290	0.103944	0.999791
XLOC_002648	XLOC_002648	C10orf2	chr10:102747292-102754158	0.103949	0.999791
XLOC_010130	XLOC_010130	CEP192	chr18:12991360-13125051	0.103968	0.999791
XLOC_022428	XLOC_022428	SECISBP2	chr9:91933411-91974561	0.103986	0.999791
XLOC_004697	XLOC_004697	C1RL-AS1	chr12:7247145-7274447	0.103988	1
XLOC_005118	XLOC_005118	TPCN1	chr12:113659259-113736389	0.104015	0.999791
XLOC_004696	XLOC_004696	C1S	chr12:7167979-7178335	0.104055	0.999791
XLOC_006095	XLOC_006095	VWA8	chr13:42140960-42535221	0.104098	0.999791
XLOC_015134	XLOC_015134	ALAS1	chr3:52232098-52248343	0.104202	0.999791
XLOC_001540	XLOC_001540	DMRTA2	chr1:50883222-50889119	0.10429	0.999791
XLOC_014479	XLOC_014479	ADRBK2	chr22:25960860-26125258	0.104453	0.999791
XLOC_007255	XLOC_007255	PTPLAD1	chr15:65822826-65870693	0.104519	0.999791
XLOC_002699	XLOC_002699	TCF7L2	chr10:114710008-114927436	0.104528	0.999791
XLOC_015682	XLOC_015682	MAP4	chr3:47892179-48130769	0.10455	0.999791
XLOC_017172	XLOC_017172	GTF2H2B	chr5:69711196-69746189	0.104582	0.999791
XLOC_005957	XLOC_005957	GPR180	chr13:95254103-95286899	0.104591	0.999791
XLOC_014124	XLOC_014124	BACH1	chr21:30671219-30734217	0.104604	0.999791
XLOC_004977	XLOC_004977	NUP107	chr12:69080730-69136473	0.10466	0.999791
XLOC_010469	XLOC_010469	TMPPRSS9	chr19:2389783-2427875	0.104726	1
XLOC_021779	XLOC_021779	RHPN1	chr8:144451024-144466390	0.104746	0.999791
XLOC_020410	XLOC_020410	HOXA-AS4	chr7:27202056-27219880	0.104786	0.999791
XLOC_001917	XLOC_001917	MRPL24	chr1:156707093-156710923	0.104807	0.999791
XLOC_015458	XLOC_015458	ACTL6A	chr3:179280707-179306193	0.104834	0.999791
XLOC_009503	XLOC_009503	TMEM220	chr17:10616638-10718481	0.104838	1
XLOC_021678	XLOC_021678	DPY19L4	chr8:95732102-95806076	0.104857	0.999791
XLOC_005698	XLOC_005698	PPTC7	chr12:110972236-111021064	0.104901	0.999791
XLOC_008320	XLOC_008320	JMJDB	chr16:730114-734439	0.104908	0.999791
XLOC_008458	XLOC_008458	DNAH3	chr16:20944475-21191937	0.104948	1
XLOC_015945	XLOC_015945	MBD4	chr3:129149786-129239191	0.104991	0.999791
XLOC_018070	XLOC_018070	FAM8A1	chr6:17600517-17611950	0.104998	0.999791
XLOC_022033	XLOC_022033	SLCO5A1	chr8:70584567-70747299	0.105142	0.999791
XLOC_018777	XLOC_018777	EHMT2	chr6:31847536-31865464	0.10521	0.999791
XLOC_006728	XLOC_006728	DHRS4-AS1	chr14:24407939-24438488	0.105216	0.999791
XLOC_014485	XLOC_014485	MIAT	chr22:27053445-27072440	0.105235	1
XLOC_000079	XLOC_000079	TARDBP	chr1:11072678-11085549	0.10524	0.999791
XLOC_015156	XLOC_015156	APPL1	chr3:57261764-57326710	0.105248	0.999791
XLOC_016039	XLOC_016039	SCARNA7	chr3:160212782-160283376	0.105295	0.999791
XLOC_021853	XLOC_021853	SGK223	chr8:8175257-8239257	0.10535	0.999791
XLOC_011726	XLOC_011726	ETHE1	chr19:44010870-44031396	0.105399	0.999791
XLOC_006499	XLOC_006499	UBR7	chr14:93669236-93695561	0.105472	0.999791
XLOC_017474	XLOC_017474	LOC257358	chr5:169758434-169762104	0.105476	1
XLOC_010222	XLOC_010222	PMAIP1	chr18:57567191-57571538	0.105489	0.999791
XLOC_003818	XLOC_003818	C11orf57	chr1:1111944967-111957522	0.105503	0.999791
XLOC_004772	XLOC_004772	ETNK1	chr12:22778075-22843608	0.105507	0.999791
XLOC_008338	XLOC_008338	IFT140	chr16:1543351-1662109	0.105525	0.999791
XLOC_022350	XLOC_022350	ZCCHC7	chr9:37120468-37358145	0.105543	0.999791
XLOC_007803	XLOC_007803	PCSK6	chr15:101844132-102030187	0.105589	0.999791
XLOC_003857	XLOC_003857	TRAPPC4	chr11:118889240-118894385	0.105601	0.999791
XLOC_003163	XLOC_003163	RGS10	chr10:121259338-121302222	0.105728	0.999791
XLOC_023550	XLOC_023550	TBC1D8B	chrX:106045918-106119377	0.105765	0.999791
XLOC_010680	XLOC_010680	PGLS	chr19:17622431-17632097	0.105767	0.999791
XLOC_020649	XLOC_020649	MEPCE	chr7:99998494-100031749	0.105784	0.999791
XLOC_016619	XLOC_016619	ZNF721	chr4:419223-533320	0.10579	0.999791
XLOC_010587	XLOC_010587	CARM1	chr19:10982252-11039357	0.105843	0.999791
XLOC_001340	XLOC_001340	HSPG2	chr1:22138757-22263750	0.105844	0.999791
XLOC_014940	XLOC_014940	PRRT3-AS1	chr3:9987225-9996471	0.105869	0.999791
XLOC_016810	XLOC_016810	PAQR3	chr4:79839093-79860582	0.10591	0.999791
XLOC_010991	XLOC_010991	EMP3	chr19:48828628-48833810	0.105913	0.999791
XLOC_016332	XLOC_016332	REST	chr4:57774041-57802010	0.105949	0.999791
XLOC_004831	XLOC_004831	KCNH3	chr12:49932939-49952077	0.105958	0.999791
XLOC_009308	XLOC_009308	SCARNA16	chr17:75084724-75213181	0.106013	0.999791
XLOC_016459	XLOC_016459	LEF1-AS1	chr4:108968700-109097586	0.106014	0.999791
XLOC_022804	XLOC_022804	SIGMAR1	chr9:34634718-34637768	0.10617	0.999791
XLOC_022152	XLOC_022152	TAF2	chr8:120743013-120845074	0.106217	0.999791
XLOC_018381	XLOC_018381	CD109	chr6:74405507-74538041	0.106245	0.999791
XLOC_005385	XLOC_005385	GXYLT1	chr12:42475647-42538673	0.10628	0.999791
XLOC_015586	XLOC_015586	XPC	chr3:14186647-14220172	0.106316	0.999791
XLOC_005894	XLOC_005894	SETDB2	chr13:50018428-50069139	0.106324	0.999791
XLOC_008989	XLOC_008989	ZNF830	chr17:33288548-33290205	0.106337	0.999791
XLOC_006523	XLOC_006523	VRK1	chr14:97263683-97347951	0.106466	0.999791

XLOC_021173	XLOC_021173	PDK4	chr7:95212808-95225925	0.106517	1
XLOC_001485	XLOC_001485	LOC100130557	chr1:41154751-41237275	0.106566	0.999791
XLOC_013069	XLOC_013069	REV1	chr2:100016937-100106480	0.1066	0.999791
XLOC_005906	XLOC_005906	WDFY2	chr13:52158483-52336171	0.106627	0.999791
XLOC_004243	XLOC_004243	PRPF19	chr1:160658019-60674061	0.106714	0.999791
XLOC_017248	XLOC_017248	LOC100289230	chr5:98264837-98266713	0.106724	0.999791
XLOC_003600	XLOC_003600	ARL2,SNX15	chr11:64781584-64808044	0.106756	0.999791
XLOC_022162	XLOC_022162	FBXO32	chr8:124510126-124553493	0.106794	0.999791
XLOC_017120	XLOC_017120	ZNF131	chr5:43121641-43175823	0.106867	0.999791
XLOC_012374	XLOC_012374	BCL2L11	chr2:111878490-111926022	0.106869	0.999791
XLOC_015067	XLOC_015067	EXOSC7	chr3:45017740-45054158	0.106893	0.999791
XLOC_006909	XLOC_006909	POMT2	chr14:77741298-77787225	0.106919	0.999791
XLOC_010449	XLOC_010449	CIRBP	chr19:1267469-1274809	0.106937	0.999791
XLOC_010711	XLOC_010711	RFXANK	chr19:19256375-19314238	0.106962	0.999791
XLOC_005150	XLOC_005150	TMEM120B	chr12:122150657-122231594	0.10705	0.999791
XLOC_011516	XLOC_011516	HAUS8	chr19:17160570-17186343	0.107128	0.999791
XLOC_006091	XLOC_006091	ELF1	chr13:41506054-41593508	0.107147	0.999791
XLOC_022565	XLOC_022565	ZBTB43	chr9:129567284-129600487	0.107155	0.999791
XLOC_020329	XLOC_020329	FLJ44511	chr7:560027-564869	0.107296	1
XLOC_007407	XLOC_007407	FES	chr15:91427664-91439006	0.10736	0.999791
XLOC_008104	XLOC_008104	FTO	chr16:53737874-54148379	0.107406	0.999791
XLOC_023463	XLOC_023463	NONO	chrX:70430034-70948962	0.107416	0.999791
XLOC_022794	XLOC_022794	DCAF12	chr9:34086380-34126771	0.107458	0.999791
XLOC_011262	XLOC_011262	SHC2	chr19:416582-460996	0.107504	0.999791
XLOC_017363	XLOC_017363	ZMAT2	chr5:140080031-140086239	0.107573	0.999791
XLOC_014562	XLOC_014562	POBEC3A,POBEC3A_B,POBEC3A_C	chr22:39353526-39388784	0.107616	0.999791
XLOC_006918	XLOC_006918	CEP128	chr14:80962820-81405884	0.107642	0.999791
XLOC_023259	XLOC_023259	MSL3	chrX:11776277-11793872	0.107685	0.999791
XLOC_022850	XLOC_022850	KGFLP2	chr9:41958801-42019584	0.107696	1
XLOC_022953	XLOC_022953	LINC00476	chr9:98568369-98731122	0.107725	0.999791
XLOC_007894	XLOC_007894	FLYWCH2	chr16:2933195-2949383	0.107765	0.999791
XLOC_018636	XLOC_018636	BLOC1S5,EEF1E1,TXNDC5	chr6:7727010-8102828	0.107816	0.999791
XLOC_004976	XLOC_004976	RAP1B	chr12:69004618-69054385	0.107847	0.999791
XLOC_016841	XLOC_016841	ABCG2	chr4:89011415-89152474	0.107905	0.999791
XLOC_007805	XLOC_007805	TARSL2	chr15:102193954-102264645	0.107913	0.999791
XLOC_011627	XLOC_011627	ZNF850	chr19:37234379-37263716	0.107935	0.999791
XLOC_012672	XLOC_012672	SGPP2	chr2:223289321-223423617	0.107964	0.999791
XLOC_001042	XLOC_001042	TATDN3	chr1:212965169-212990167	0.108035	0.999791
XLOC_015155	XLOC_015155	SPATA12	chr3:56761445-57113336	0.108135	1
XLOC_009179	XLOC_009179	TOM1L1	chr17:52978051-53046064	0.108141	0.999791
XLOC_017171	XLOC_017171	SMN2	chr5:69345349-69373422	0.108146	0.999791
XLOC_014909	XLOC_014909	SCO2,TYMP	chr22:50946644-50988514	0.108159	0.999791
XLOC_021502	XLOC_021502	SLC39A14	chr8:22224761-22291640	0.108161	0.999791
XLOC_002085	XLOC_002085	GLRX2	chr1:193065594-193075244	0.108191	0.999791
XLOC_012214	XLOC_012214	ETAA1	chr2:67624441-67637533	0.108197	0.999791
XLOC_014949	XLOC_014949	HRH1	chr3:11178778-11304939	0.108262	0.999791
XLOC_007256	XLOC_007256	SLC24A1	chr15:65914269-65948598	0.108324	0.999791
XLOC_015680	XLOC_015680	CSPG5	chr3:47603727-47621730	0.108325	0.999791
XLOC_009062	XLOC_009062	FKBP10	chr17:39968961-39979469	0.108407	0.999791
XLOC_008189	XLOC_008189	DUS2L	chr16:68055176-68113226	0.108429	0.999791
XLOC_008207	XLOC_008207	CLEC18A	chr16:69984607-69988250	0.108444	1
XLOC_007261	XLOC_007261	ZWILCH	chr15:66797430-66857835	0.10847	0.999791
XLOC_017949	XLOC_017949	FBXW11	chr5:171288555-171433877	0.108482	0.999791
XLOC_013269	XLOC_013269	NCKAP1	chr2:183789604-183903229	0.108664	0.999791
XLOC_021780	XLOC_021780	GSDMD	chr8:144635556-144645231	0.108668	0.999791
XLOC_014988	XLOC_014988	RARB	chr3:25469753-25705863	0.10867	1
XLOC_023940	XLOC_023940	XIST	chrX:73012039-73072588	0.108711	0.999791
XLOC_008400	XLOC_008400	ZNF500	chr16:4800814-4817166	0.108801	0.999791
XLOC_022868	XLOC_022868	CBWD3,CBWD5	chr9:70431999-70490177	0.10882	0.999791
XLOC_000766	XLOC_000766	SYT11	chr1:155829259-155854990	0.108928	1
XLOC_009005	XLOC_009005	GGNBP2	chr17:34900736-34946276	0.109	0.999791
XLOC_023610	XLOC_023610	RAB33A	chrX:129305772-129318844	0.109066	1
XLOC_008837	XLOC_008837	CHD3	chr17:7788122-7816075	0.109089	0.999791
XLOC_006353	XLOC_006353	C14orf166	chr14:52456227-52471420	0.109101	0.999791
XLOC_003438	XLOC_003438	LRP4-AS1	chr11:46867961-46940173	0.109137	1
XLOC_018842	XLOC_018842	CPNE5	chr6:36708554-36807220	0.109185	1
XLOC_005280	XLOC_005280	DDX12P	chr12:9570286-9600768	0.109263	0.999791
XLOC_014261	XLOC_014261	CCT8	chr21:30428647-30446010	0.109268	0.999791
XLOC_021020	XLOC_021020	FAM183B	chr7:38724945-38726689	0.109294	0.999791
XLOC_018835	XLOC_018835	SRPK1	chr6:35800810-35888957	0.109485	0.999791
XLOC_007610	XLOC_007610	BNIP2	chr15:59955061-59981642	0.109512	0.999791
XLOC_002263	XLOC_002263	ERO1LB	chr1:236378421-236445339	0.109538	0.999791
XLOC_020353	XLOC_020353	WIPI2	chr7:5229834-5273486	0.109574	0.999791
XLOC_001063	XLOC_001063	HLX	chr1:221052742-221058400	0.109619	0.999791
XLOC_002003	XLOC_002003	ANKRD36BP1	chr1:168214818-168216668	0.109632	1
XLOC_000183	XLOC_000183	GRHL3	chr1:24645811-24741587	0.109692	1
XLOC_004515	XLOC_004515	KDELC2	chr11:108342832-108369159	0.109713	0.999791
XLOC_016657	XLOC_016657	LOC100129931	chr4:6911170-7059677	0.109733	0.999791
XLOC_002175	XLOC_002175	TMEM206	chr1:212537815-212588267	0.109788	0.999791

XLOC_006805	XLOC_006805	NIN	chr14:51186480-51297839	0.109802	0.999791
XLOC_014021	XLOC_014021	B4GALT5	chr20:48249482-48330421	0.10985	0.999791
XLOC_010678	XLOC_010678	MVB12A	chr19:17530911-17536140	0.109918	0.999791
XLOC_013866	XLOC_013866	KIF16B	chr20:16252748-16554079	0.110055	0.999791
XLOC_019020	XLOC_019020	RTN4IP1	chr6:107018902-107077373	0.110116	0.999791
XLOC_022470	XLOC_022470	ANP32B	chr9:100745488-100778224	0.110127	0.999791
XLOC_021126	XLOC_021126	STYXL1	chr7:75625654-75677321	0.110132	0.999791
XLOC_011289	XLOC_011289	MKNK2	chr19:2037469-2051243	0.11015	0.999791
XLOC_006136	XLOC_006136	DHRS12	chr13:52342128-52378298	0.110161	0.999791
XLOC_008264	XLOC_008264	USP10	chr16:84733554-84813527	0.110164	0.999791
XLOC_008144	XLOC_008144	GPR114	chr16:57576600-57611100	0.110183	0.999791
XLOC_006452	XLOC_006452	ZC2HC1C	chr14:75536298-75544799	0.110292	1
XLOC_011509	XLOC_011509	EPS15L1	chr19:16466054-16582823	0.110318	0.999791
XLOC_022468	XLOC_022468	NCBP1	chr9:100263461-100436029	0.110412	0.999791
XLOC_018717	XLOC_018717	TRIM27	chr6:28870778-28891768	0.110433	0.999791
XLOC_022259	XLOC_022259	KANK1	chr9:470293-746106	0.11057	0.999791
XLOC_000311	XLOC_000311	ZNF684	chr1:40997232-41013841	0.110593	0.999791
XLOC_009028	XLOC_009028	CDK12	chr17:37617738-37690800	0.11063	0.999791
XLOC_022239	XLOC_022239	FBXL6	chr8:145579087-145582183	0.1107	0.999791
XLOC_009060	XLOC_009060	EIF1	chr17:39845126-39847898	0.110737	0.999791
XLOC_010000	XLOC_010000	TMC6	chr17:76108998-76139049	0.110756	0.999791
XLOC_008653	XLOC_008653	ST3GAL2	chr16:70413337-70472991	0.110774	0.999791
XLOC_009512	XLOC_009512	PMP22	chr17:15133095-15168644	0.110786	0.999791
XLOC_012364	XLOC_012364	RANBP2	chr2:109335936-109402267	0.110814	0.999791
XLOC_022111	XLOC_022111	HRSP12	chr8:99114566-99129418	0.110847	0.999791
XLOC_003058	XLOC_003058	NOC3L	chr10:96092988-96122683	0.110872	0.999791
XLOC_023159	XLOC_023159	C9orf69	chr9:139006426-139010731	0.110964	0.999791
XLOC_002958	XLOC_002958	JMJ1D1C	chr10:64926987-65226322	0.110998	0.999791
XLOC_012202	XLOC_012202	EHPB1	chr2:62900985-63275656	0.110999	0.999791
XLOC_014878	XLOC_014878	KIAA1644	chr22:44639556-447708731	0.111112	1
XLOC_010054	XLOC_010054	DUS1L	chr17:80015747-80023697	0.111124	0.999791
XLOC_018019	XLOC_018019	DUSP22	chr6:292100-351355	0.111162	0.999791
XLOC_020631	XLOC_020631	ZKSCAN5	chr7:99102272-99131445	0.111212	0.999791
XLOC_009815	XLOC_009815	HOXB3	chr17:46626231-46651810	0.111233	0.999791
XLOC_015735	XLOC_015735	ZMYND10	chr3:50378536-50383156	0.111269	0.999791
XLOC_012052	XLOC_012052	C2orf50	chr2:11273178-11286911	0.111307	1
XLOC_016363	XLOC_016363	UTP3	chr4:71554195-71556268	0.111311	0.999791
XLOC_002820	XLOC_002820	SEPHS1	chr10:13359437-13390298	0.111328	0.999791
XLOC_001546	XLOC_001546	KTI12, TXNDC12	chr1:52485803-52521843	0.111408	0.999791
XLOC_008304	XLOC_008304	TCF25	chr16:89939993-8997792	0.111536	0.999791
XLOC_013296	XLOC_013296	HSPD1	chr2:198351307-198418423	0.111587	0.999791
XLOC_003195	XLOC_003195	LOC387723	chr10:131862161-131909081	0.111623	0.999791
XLOC_010581	XLOC_010581	ILF3	chr19:10764936-10803095	0.111637	0.999791
XLOC_007384	XLOC_007384	MRPS11	chr15:89010683-89021861	0.111654	0.999791
XLOC_005493	XLOC_005493	CALCOCO1	chr12:54104901-54121307	0.111686	0.999791
XLOC_020369	XLOC_020369	MIOS	chr7:7606615-7647110	0.111716	0.999791
XLOC_015046	XLOC_015046	ZBTB47	chr3:42695175-42709072	0.11174	0.999791
XLOC_006910	XLOC_006910	TMED8	chr14:77808113-77843396	0.111781	1
XLOC_002542	XLOC_002542	TMEM254	chr10:81805988-81852307	0.111801	0.999791
XLOC_006448	XLOC_006448	FCF1	chr14:75179849-75203390	0.111865	0.999791
XLOC_008806	XLOC_008806	ACADVL	chr17:7093209-7128586	0.111967	0.999791
XLOC_012082	XLOC_012082	HADHB	chr2:26467615-26513333	0.112	0.999791
XLOC_017926	XLOC_017926	CLINT1	chr5:157212750-157286183	0.112119	0.999791
XLOC_016149	XLOC_016149	PIGZ	chr3:196673213-196695704	0.112157	0.999791
XLOC_008809	XLOC_008809	EIF5A	chr17:7210317-7215782	0.112236	0.999791
XLOC_000184	XLOC_000184	NIPAL3	chr1:24742244-24799473	0.112246	0.999791
XLOC_004208	XLOC_004208	TNKS1BP1	chr11:57067102-57092413	0.112251	0.999791
XLOC_009185	XLOC_009185	DGKE	chr17:54911459-54946036	0.112286	0.999791
XLOC_004506	XLOC_004506	MSANTD4	chr11:105878628-105892954	0.112356	0.999791
XLOC_002154	XLOC_002154	EIF2D	chr1:206764973-206785904	0.112373	0.999791
XLOC_008596	XLOC_008596	CSNK2A2	chr16:58191811-58231782	0.112424	0.999791
XLOC_001971	XLOC_001971	PFDN2	chr1:161070345-161102478	0.112499	0.999791
XLOC_013450	XLOC_013450	NDUFA10	chr2:240896788-240964819	0.112522	0.999791
XLOC_013224	XLOC_013224	FASTKD1	chr2:170386262-170430424	0.112544	0.999791
XLOC_022969	XLOC_022969	C9orf156	chr9:100666771-100684852	0.112573	0.999791
XLOC_008830	XLOC_008830	WRAP53	chr17:7571719-7606820	0.11258	0.999791
XLOC_004449	XLOC_004449	FZD4	chr11:86656716-86666440	0.112591	0.999791
XLOC_014466	XLOC_014466	SPECC1L	chr22:24666789-24813708	0.112615	0.999791
XLOC_000214	XLOC_000214	NUDC	chr1:27248212-27273362	0.112667	0.999791
XLOC_012683	XLOC_012683	AGFG1	chr2:228336847-228425938	0.112673	0.999791
XLOC_006123	XLOC_006123	RCBTB1	chr13:50106081-50159719	0.112674	0.999791
XLOC_018291	XLOC_018291	MDFI	chr6:41606194-41621982	0.11269	0.999791
XLOC_001516	XLOC_001516	PRDX1	chr1:45965855-45988562	0.112716	0.999791
XLOC_008775	XLOC_008775	ZMYND15	chr17:4643309-4649414	0.112776	0.999791
XLOC_012337	XLOC_012337	MAP4K4	chr2:102314164-102511152	0.112799	0.999791
XLOC_017596	XLOC_017596	DROSHA	chr5:31400601-31532282	0.112845	0.999791
XLOC_013078	XLOC_013078	MFSD9	chr2:103333665-103353337	0.112856	0.999791
XLOC_021228	XLOC_021228	CLDN15	chr7:100875372-100882101	0.112926	0.999791
XLOC_005373	XLOC_005373	FAM60A	chr12:31433519-31479159	0.112957	0.999791

XLOC_013849	XLOC_013849	GPCPD1	chr20:5525079-5591672	0.112965	0.999791
XLOC_001819	XLOC_001819	MRPL9	chr1:151732122-151743806	0.113002	0.999791
XLOC_012534	XLOC_012534	HNRNPA3	chr2:178077421-178088685	0.113053	0.999791
XLOC_003300	XLOC_003300	TIMM10B	chr11:6495912-6505911	0.11306	0.999791
XLOC_009535	XLOC_009535	ATPAF2	chr17:17921333-17942480	0.113171	0.999791
XLOC_020696	XLOC_020696	DLD	chr7:107531585-107561643	0.113192	0.999791
XLOC_014331	XLOC_014331	LCA5L	chr21:40777769-40816128	0.113257	1
XLOC_005703	XLOC_005703	ATXN2	chr12:111890017-112037480	0.113354	0.999791
XLOC_010868	XLOC_010868	ITPKC	chr19:41223007-41255828	0.113364	0.999791
XLOC_021680	XLOC_021680	NDUFAF6	chr8:96037213-96070944	0.11338	0.999791
XLOC_009990	XLOC_009990	RHBDF2	chr17:74466974-74497509	0.113391	0.999791
XLOC_016132	XLOC_016132	ACAP2	chr3:194995464-195163817	0.11341	0.999791
XLOC_000181	XLOC_000181	PNRC2	chr1:24286300-24289949	0.113431	0.999791
XLOC_009307	XLOC_009307	SEC14L1	chr17:75084724-75213181	0.113474	0.999791
XLOC_002277	XLOC_002277	CEP170	chr1:243287729-243418708	0.113488	1
XLOC_003409	XLOC_003409	API5	chr11:43333504-43366080	0.113492	0.999791
XLOC_021567	XLOC_021567	GOLGA7	chr8:41348080-41368499	0.113534	0.999791
XLOC_020594	XLOC_020594	STEAP1	chr7:89783688-89794141	0.113592	0.999791
XLOC_007011	XLOC_007011	CYFIP1	chr15:22892683-23003603	0.113738	0.999791
XLOC_001638	XLOC_001638	GTF2B	chr1:89318320-89357301	0.113746	0.999791
XLOC_014782	XLOC_014782	RFPL2	chr22:32586421-32600718	0.113816	1
XLOC_021646	XLOC_021646	ZC2HC1A	chr8:79578281-79631997	0.113949	0.999791
XLOC_008424	XLOC_008424	ZC3H7A	chr16:11844441-11891114	0.114001	0.999791
XLOC_009803	XLOC_009803	OSBPL7	chr17:45884732-45899147	0.114059	0.999791
XLOC_010192	XLOC_010192	KATNAL2	chr18:44526786-44628614	0.114111	1
XLOC_014148	XLOC_014148	IFNGR2	chr21:34775201-34852316	0.114131	0.999791
XLOC_003909	XLOC_003909	FOXRED1	chr11:126138934-126148027	0.11427	0.999791
XLOC_021333	XLOC_021333	MTPN	chr7:135611502-135662204	0.114291	0.999791
XLOC_015119	XLOC_015119	HEMK1	chr3:50595455-50622421	0.114297	0.999791
XLOC_007418	XLOC_007418	CHD2	chr15:93443550-93571237	0.114305	0.999791
XLOC_007189	XLOC_007189	SORD	chr15:45315301-45367287	0.11437	0.999791
XLOC_018049	XLOC_018049	PAK1IP1	chr6:10695187-10709970	0.114502	0.999791
XLOC_023197	XLOC_023197	NRARP	chr9:140194082-140196703	0.114595	0.999791
XLOC_017424	XLOC_017424	TCOF1	chr5:149737201-149779871	0.114608	0.999791
XLOC_016251	XLOC_016251	TAPT1-AS1	chr4:16228285-16259810	0.114622	1
XLOC_005044	XLOC_005044	SLC25A3	chr12:98987402-98995778	0.114745	0.999791
XLOC_012899	XLOC_012899	SRBD1	chr2:45615818-45838433	0.114855	0.999791
XLOC_021108	XLOC_021108	STX1A	chr7:73113534-73134017	0.114866	0.999791
XLOC_001187	XLOC_001187	NOC2L	chr1:861120-894679	0.114903	0.999791
XLOC_020797	XLOC_020797	MGAM	chr7:141695678-141806547	0.114954	1
XLOC_012379	XLOC_012379	TTL	chr2:113239742-113290222	0.114971	0.999791
XLOC_008512	XLOC_008512	LOC613037	chr16:30234349-30256932	0.11501	0.999791
XLOC_006867	XLOC_006867	ZFP36L1	chr14:69254371-69262960	0.115047	0.999791
XLOC_004401	XLOC_004401	UCP2	chr11:73685715-73693889	0.115078	0.999791
XLOC_000760	XLOC_000760	RUSC1	chr1:155278538-155300909	0.11508	0.999791
XLOC_014507	XLOC_014507	OSBP2	chr22:31090792-31303811	0.115207	0.999791
XLOC_007859	XLOC_007859	FAHD1	chr16:1877224-1922179	0.115219	0.999791
XLOC_017162	XLOC_017162	CCNB1	chr5:68462836-68474070	0.115231	0.999791
XLOC_012633	XLOC_012633	SMARCAL1	chr2:217277136-217347774	0.115238	0.999791
XLOC_012612	XLOC_012612	FASTKD2	chr2:207630111-207660911	0.115239	0.999791
XLOC_021551	XLOC_021551	EIF4EBP1	chr8:37888019-37917883	0.115331	0.999791
XLOC_006298	XLOC_006298	IRF9	chr14:24630421-24635774	0.115336	0.999791
XLOC_008135	XLOC_008135	NLRC5	chr16:57050985-57117436	0.115396	0.999791
XLOC_017320	XLOC_017320	HSPA4	chr5:132387661-132440709	0.115431	0.999791
XLOC_015767	XLOC_015767	RFT1	chr3:53122500-53164470	0.115547	0.999791
XLOC_022186	XLOC_022186	TMEM71	chr8:133722191-133772914	0.115549	0.999791
XLOC_014510	XLOC_014510	TUG1	chr22:31365633-31375380	0.115555	0.999791
XLOC_017921	XLOC_017921	MED7	chr5:156565450-156569921	0.115612	0.999791
XLOC_007544	XLOC_007544	TP53BP1	chr15:43663312-43910998	0.115639	0.999791
XLOC_021206	XLOC_021206	C7orf43	chr7:99752042-99756302	0.115753	0.999791
XLOC_007223	XLOC_007223	FLJ27352	chr15:55611132-55800432	0.115832	0.999791
XLOC_003901	XLOC_003901	STT3A	chr11:125462738-125491280	0.115901	0.999791
XLOC_001916	XLOC_001916	ISG20L2	chr1:156692412-156697705	0.115956	0.999791
XLOC_020436	XLOC_020436	LOC401321	chr7:32797897-32802536	0.116039	0.999791
XLOC_006800	XLOC_006800	SOS2	chr14:50583845-50698099	0.116047	0.999791
XLOC_008601	XLOC_008601	SLC38A7	chr16:58700297-58718674	0.116094	0.999791
XLOC_009607	XLOC_009607	C17orf75	chr17:30655459-30669228	0.116107	0.999791
XLOC_008389	XLOC_008389	TRAP1	chr16:3702939-3767598	0.116192	0.999791
XLOC_017367	XLOC_017367	PCDHA1,PCDHA10,PCDHA11,PC	chr5:140165875-140391929	0.116287	1
XLOC_016649	XLOC_016649	STX18	chr4:4387982-4543775	0.116329	0.999791
XLOC_020451	XLOC_020451	YAE1D1	chr7:39606002-39612480	0.116391	0.999791
XLOC_001028	XLOC_001028	DIEXF	chr1:210001311-210030910	0.1164	0.999791
XLOC_004788	XLOC_004788	FAR2	chr12:29301935-29488549	0.116414	0.999791
XLOC_009121	XLOC_009121	MAPT	chr17:43920721-44105699	0.116456	1
XLOC_021101	XLOC_021101	NSUN5	chr7:72716513-72722864	0.116478	0.999791
XLOC_021379	XLOC_021379	TPK1	chr7:144149033-144533146	0.116489	0.999791
XLOC_007763	XLOC_007763	MRPL46	chr15:89002708-89010633	0.116513	0.999791
XLOC_021127	XLOC_021127	YWHAG	chr7:75956107-75988342	0.116533	0.999791
XLOC_007647	XLOC_007647	SNAPC5	chr15:66679210-66790146	0.116579	0.999791

XLOC_012826	XLOC_012826	DTNB	chr2:25600066-25896516	0.116595	0.999791
XLOC_010929	XLOC_010929	TOMM40	chr19:45394476-45406946	0.116621	0.999791
XLOC_008891	XLOC_008891	DRG2	chr17:17991180-18011299	0.116627	0.999791
XLOC_014554	XLOC_014554	POLR2F	chr22:38339056-38365319	0.116632	0.999791
XLOC_007516	XLOC_007516	DNAJC17	chr15:41060066-41106767	0.116702	0.999791
XLOC_013246	XLOC_013246	HOXD-AS2	chr2:176999568-177001826	0.116716	0.999791
XLOC_024033	XLOC_024033	CXorf56	chrX:118672111-118699397	0.116878	0.999791
XLOC_018069	XLOC_018069	CAP2	chr6:17393735-17558023	0.116896	0.999791
XLOC_006872	XLOC_006872	LOC100289511	chr14:70232999-70238722	0.11704	1
XLOC_005880	XLOC_005880	GTF2F2	chr13:45694630-45858239	0.117149	0.999791
XLOC_001208	XLOC_001208	CDK11A,CDK11B	chr1:1571099-1655791	0.117174	0.999791
XLOC_023173	XLOC_023173	SNHG7,SNORA17,SNORA43	chr9:139607023-139622636	0.117177	0.999791
XLOC_008595	XLOC_008595	C16orf80	chr16:58147496-58163296	0.117297	0.999791
XLOC_005160	XLOC_005160	DENR	chr12:123237370-123255953	0.117311	0.999791
XLOC_021813	XLOC_021813	RPL23AP53	chr8:158344-197339	0.11739	0.999791
XLOC_004610	XLOC_004610	TMEM218	chr11:124964265-124981659	0.117435	0.999791
XLOC_017019	XLOC_017019	RWDD4	chr4:184560788-184580331	0.117513	0.999791
XLOC_013321	XLOC_013321	NDUFS1	chr2:206987802-207024243	0.117538	0.999791
XLOC_000674	XLOC_000674	MRPS21	chr1:150266268-150280819	0.11754	0.999791
XLOC_014578	XLOC_014578	ADSL	chr22:40742503-40762575	0.117546	0.999791
XLOC_015421	XLOC_015421	GFM1	chr3:158362316-158410360	0.117555	0.999791
XLOC_002895	XLOC_002895	ZNF32	chr10:44124264-44170147	0.117678	0.999791
XLOC_017775	XLOC_017775	TICAM2,TMED7,TMED7-TICAM2	chr5:114914338-114961876	0.117773	0.999791
XLOC_024070	XLOC_024070	AIFM1	chrX:129263337-129299861	0.117779	0.999791
XLOC_024077	XLOC_024077	RAP2C	chrX:131337051-131353508	0.117928	0.999791
XLOC_002537	XLOC_002537	EIF5AL1	chr10:81272356-81276192	0.117951	0.999791
XLOC_008137	XLOC_008137	RSPRY1	chr16:57220240-57272947	0.11797	0.999791
XLOC_001630	XLOC_001630	C1orf52	chr1:85715636-85725355	0.117985	0.999791
XLOC_004213	XLOC_004213	SLC43A1	chr11:57252003-57283192	0.118031	0.999791
XLOC_023067	XLOC_023067	PSMB7	chr9:127115743-127177752	0.118034	0.999791
XLOC_011385	XLOC_011385	RAB11B-AS1	chr19:8439259-8469317	0.118037	0.999791
XLOC_010517	XLOC_010517	VMAC	chr19:5904851-5910263	0.118101	0.999791
XLOC_017917	XLOC_017917	GEMIN5	chr5:154266975-154317776	0.118124	0.999791
XLOC_021090	XLOC_021090	SBDS	chr7:66452689-66460588	0.118182	0.999791
XLOC_013478	XLOC_013478	TRIB3	chr20:361307-378203	0.118183	0.999791
XLOC_022462	XLOC_022462	LOC100132781	chr9:99631181-99634510	0.118183	1
XLOC_014202	XLOC_014202	PWP2	chr21:45527207-45551063	0.118264	0.999791
XLOC_004167	XLOC_004167	ARFGAP2	chr11:46958250-47198676	0.118324	0.999791
XLOC_006655	XLOC_006655	ADSS1	chr14:105190533-105213647	0.118324	0.999791
XLOC_022138	XLOC_022138	EIF3E	chr8:109213971-109260959	0.118351	0.999791
XLOC_016703	XLOC_016703	ARAP2	chr4:36067619-36245979	0.118461	0.999791
XLOC_015846	XLOC_015846	ABI3BP	chr3:100468178-100712334	0.118509	1
XLOC_005596	XLOC_005596	OSBPL8	chr12:76745577-76953589	0.118517	0.999791
XLOC_009262	XLOC_009262	TTYH2	chr17:72209695-72258157	0.11868	0.999791
XLOC_011550	XLOC_011550	SUGP1	chr19:19387321-19431321	0.118705	0.999791
XLOC_002953	XLOC_002953	ANK3	chr10:61786055-62493284	0.118731	1
XLOC_022399	XLOC_022399	GCNT1	chr9:79056581-79122332	0.118747	0.999791
XLOC_010121	XLOC_010121	GNAL	chr18:11689013-11908796	0.118791	0.999791
XLOC_014592	XLOC_014592	MEI1	chr22:42095517-42195459	0.118864	1
XLOC_009414	XLOC_009414	MYBBP1A	chr17:4402128-4458681	0.118908	0.999791
XLOC_022780	XLOC_022780	TOPORS	chr9:32540541-32553015	0.119109	0.999791
XLOC_017963	XLOC_017963	NOP16	chr5:175810939-175815763	0.119114	0.999791
XLOC_008447	XLOC_008447	C16orf88	chr16:19717673-19868859	0.119202	0.999791
XLOC_014601	XLOC_014601	LOC100132273	chr22:42486936-42521354	0.119246	0.999791
XLOC_008129	XLOC_008129	MT1X	chr16:56716381-56718108	0.119275	0.999791
XLOC_019148	XLOC_019148	MTRF1L	chr6:153308399-153323925	0.119288	0.999791
XLOC_021107	XLOC_021107	DNAJC30	chr7:73095247-73097781	0.119341	0.999791
XLOC_013593	XLOC_013593	KIF3B	chr20:30865453-30922811	0.119437	0.999791
XLOC_013356	XLOC_013356	TNS1	chr2:218664511-218808796	0.119458	1
XLOC_016934	XLOC_016934	ELF2	chr4:139978870-140060630	0.119497	0.999791
XLOC_018139	XLOC_018139	ZKSCAN8	chr6:28109715-28125236	0.119616	1
XLOC_001677	XLOC_001677	DPH5	chr1:101455179-101491362	0.119636	0.999791
XLOC_010833	XLOC_010833	PSMD8	chr19:38865189-38874464	0.119705	0.999791
XLOC_008493	XLOC_008493	LOC100289092	chr16:28889808-28936532	0.11972	0.999791
XLOC_023763	XLOC_023763	FANCB	chrX:14861528-14891184	0.119778	0.999791
XLOC_008784	XLOC_008784	ENO3	chr17:4854383-4860426	0.119812	0.999791
XLOC_016300	XLOC_016300	GUF1	chr4:44680432-44702697	0.119828	0.999791
XLOC_015158	XLOC_015158	SLMAP	chr3:57743173-57914894	0.119832	0.999791
XLOC_005733	XLOC_005733	RAB35	chr12:120532898-120554643	0.11991	0.999791
XLOC_015690	XLOC_015690	UCN2	chr3:48599150-48601201	0.119925	1
XLOC_023781	XLOC_023781	SH3KBP1	chrX:19552082-19905744	0.119946	0.999791
XLOC_010365	XLOC_010365	MYO5B	chr18:47349155-47721451	0.120014	0.999791
XLOC_016656	XLOC_016656	MRFAP1L1	chr4:6709428-6711606	0.120015	0.999791
XLOC_014985	XLOC_014985	RPL15	chr3:23933571-23965187	0.120085	0.999791
XLOC_002949	XLOC_002949	SLC16A9	chr10:61410521-61469649	0.1201	0.999791
XLOC_014473	XLOC_014473	SGSM1	chr22:25202135-25322813	0.120178	0.999791
XLOC_018052	XLOC_018052	SYCP2L	chr6:10887063-10974541	0.120238	1
XLOC_000764	XLOC_000764	DAP3	chr1:155658881-155708800	0.120292	0.999791
XLOC_021556	XLOC_021556	TACC1	chr8:38585703-38710546	0.120296	0.999791

XLOC_018896	XLOC_018896	TCTE1	chr6:44247896-44265458	0.120321	1
XLOC_021570	XLOC_021570	AP3M2	chr8:42010463-42028701	0.120322	0.999791
XLOC_000349	XLOC_000349	C1orf228	chr1:45140393-45191263	0.120424	1
XLOC_015233	XLOC_015233	PDCL3P4	chr3:101431277-101432260	0.120454	1
XLOC_020525	XLOC_020525	TYW1	chr7:66461791-66704507	0.120534	0.999791
XLOC_007220	XLOC_007220	MAPK6	chr15:52311410-52358462	0.120597	0.999791
XLOC_011304	XLOC_011304	ZNF77	chr19:2933215-2944969	0.120605	0.999791
XLOC_003052	XLOC_003052	IDE	chr10:94211440-94333852	0.120639	0.999791
XLOC_009432	XLOC_009432	DHX33	chr17:5344231-5372380	0.120658	0.999791
XLOC_011272	XLOC_011272	SBNO2	chr19:1107632-1174282	0.120892	0.999791
XLOC_006795	XLOC_006795	POLE2	chr14:50110269-50155098	0.12102	0.999791
XLOC_020900	XLOC_020900	TMEM184A	chr7:1570367-1596066	0.121022	0.999791
XLOC_002637	XLOC_002637	CUTC	chr10:101419262-101515894	0.121027	0.999791
XLOC_017832	XLOC_017832	HNRNPA0	chr5:137087072-137090039	0.121028	0.999791
XLOC_000775	XLOC_000775	TSACC	chr1:156278751-156316785	0.121051	0.999791
XLOC_005910	XLOC_005910	TPTE2P3	chr13:53063127-53161225	0.121152	1
XLOC_005828	XLOC_005828	GTF3A	chr13:27998680-28024739	0.121179	0.999791
XLOC_017220	XLOC_017220	ZCCHC9	chr5:80256507-81047072	0.121181	0.999791
XLOC_021251	XLOC_021251	PUS7	chr7:105096959-105162685	0.121182	0.999791
XLOC_015947	XLOC_015947	TMCC1	chr3:129366634-129612419	0.121204	0.999791
XLOC_004216	XLOC_004216	YPEL4	chr11:57412559-57417417	0.121232	0.999791
XLOC_014794	XLOC_014794	APOL2	chr22:36622254-36636000	0.121242	0.999791
XLOC_010048	XLOC_010048	PYCR1	chr17:79890266-79894968	0.121255	0.999791
XLOC_017263	XLOC_017263	EPB41LA-AS1	chr5:111496222-111498198	0.121264	0.999791
XLOC_010745	XLOC_010745	URI1	chr19:30414550-30507519	0.121366	0.999791
XLOC_001323	XLOC_001323	TMCO4	chr1:20008705-20126410	0.121395	0.999791
XLOC_004424	XLOC_004424	CLNS1A	chr11:77327195-77348851	0.121466	0.999791
XLOC_001448	XLOC_001448	STK40	chr1:36805224-36851485	0.121474	0.999791
XLOC_016171	XLOC_016171	CRIPAK	chr4:1385339-1389782	0.121543	0.999791
XLOC_015811	XLOC_015811	UBA3	chr3:69103880-69129524	0.12159	0.999791
XLOC_015361	XLOC_015361	ARMC8	chr3:137906114-138048728	0.121728	0.999791
XLOC_018325	XLOC_018325	HSP90AB1	chr6:44213902-44221625	0.12173	0.999791
XLOC_006787	XLOC_006787	MIS18BP1	chr14:45672392-45722605	0.121771	0.999791
XLOC_001729	XLOC_001729	BCAS2	chr1:115110180-115124265	0.121802	0.999791
XLOC_023114	XLOC_023114	TOR1A	chr9:132575220-132586441	0.121944	0.999791
XLOC_013843	XLOC_013843	SLC23A2	chr20:4833001-4990939	0.122005	0.999791
XLOC_013182	XLOC_013182	ARL5A	chr2:152657479-152685009	0.122011	0.999791
XLOC_020914	XLOC_020914	TNRC18	chr7:5346422-5463177	0.122179	0.999791
XLOC_001473	XLOC_001473	PABPC4	chr1:40026484-40042521	0.122272	0.999791
XLOC_007611	XLOC_007611	ANXA2	chr15:60639349-60690185	0.122282	0.999791
XLOC_005404	XLOC_005404	RPAP3	chr12:48055714-48099844	0.122294	0.999791
XLOC_013129	XLOC_013129	MKI67IP	chr2:122407229-122494503	0.12232	0.999791
XLOC_001625	XLOC_001625	SSX2IP	chr1:85109389-85156240	0.122388	0.999791
XLOC_004441	XLOC_004441	CCDC90B	chr11:82972501-82997377	0.122407	0.999791
XLOC_020403	XLOC_020403	NFE2L3	chr7:26191846-26226756	0.122423	0.999791
XLOC_005408	XLOC_005408	VDR	chr12:48235319-48298814	0.122495	0.999791
XLOC_007872	XLOC_007872	TRAF7	chr16:2205798-2246465	0.122588	0.999791
XLOC_001858	XLOC_001858	S100A14	chr1:153586731-153588808	0.122622	1
XLOC_014669	XLOC_014669	GGT3P	chr22:18761201-18779474	0.122711	1
XLOC_016561	XLOC_016561	TMA16	chr4:164415672-164441691	0.122721	0.999791
XLOC_000251	XLOC_000251	TXLNA	chr1:32645344-32663886	0.122735	0.999791
XLOC_002973	XLOC_002973	PPA1	chr10:71962585-71993190	0.122775	0.999791
XLOC_010454	XLOC_010454	DAZAP1	chr19:1407583-1435682	0.122827	0.999791
XLOC_001871	XLOC_001871	C1orf43	chr1:154179182-154243329	0.122934	0.999791
XLOC_018423	XLOC_018423	TSTD3	chr6:99968869-99981059	0.122944	0.999791
XLOC_021200	XLOC_021200	ZNF3	chr7:99647416-99679371	0.122958	0.999791
XLOC_005749	XLOC_005749	CAMKK2	chr12:121675494-121736111	0.12297	0.999791
XLOC_011250	XLOC_011250	ZNF324	chr19:58978411-58984945	0.123019	0.999791
XLOC_016377	XLOC_016377	MTHFD2L	chr4:75023828-75168814	0.123024	0.999791
XLOC_004366	XLOC_004366	FAM86C2P	chr11:67559237-67572807	0.123054	0.999791
XLOC_014964	XLOC_014964	CCDC174	chr3:14693252-14714166	0.12323	0.999791
XLOC_008327	XLOC_008327	LMF1	chr16:903634-1031318	0.123307	0.999791
XLOC_000292	XLOC_000292	MANEAL	chr1:38259773-38267278	0.123575	0.999791
XLOC_008905	XLOC_008905	SLC5A10	chr17:18853988-18950336	0.12359	0.999791
XLOC_013621	XLOC_013621	MYH7B	chr20:33543703-33680618	0.123621	1
XLOC_008409	XLOC_008409	TMEM186	chr16:8889036-8891505	0.123686	0.999791
XLOC_013705	XLOC_013705	ARFGF2	chr20:47538274-47653230	0.123751	0.999791
XLOC_009080	XLOC_009080	CNTD1	chr17:40950853-40976310	0.12378	1
XLOC_015684	XLOC_015684	NME6	chr3:48335588-48342848	0.123783	0.999791
XLOC_002823	XLOC_002823	FAM107B	chr10:14560558-14816896	0.123828	0.999791
XLOC_004102	XLOC_004102	TSG101	chr11:18501857-18548503	0.123833	0.999791
XLOC_009744	XLOC_009744	STAT5B	chr17:40351194-40428424	0.123836	0.999791
XLOC_021706	XLOC_021706	FZD6	chr8:104310660-104345094	0.123858	0.999791
XLOC_018352	XLOC_018352	FBXO9	chr6:52929795-52965670	0.123906	0.999791
XLOC_020342	XLOC_020342	EIF3B	chr7:2394473-24203577	0.123937	0.999791
XLOC_015763	XLOC_015763	NEK4	chr3:52744795-52804965	0.123954	0.999791
XLOC_016384	XLOC_016384	THAP6	chr4:76439653-76455236	0.123955	0.999791
XLOC_016509	XLOC_016509	CCRN4L	chr4:139936942-139967095	0.123965	0.999791
XLOC_012986	XLOC_012986	MOB1A	chr2:74383210-74405995	0.123989	0.999791

XLOC_009371	XLOC_009371	YWHAE	chr17:1247833-1303556	0.124117	0.999791
XLOC_004180	XLOC_004180	NUP160	chr11:47799669-47870057	0.124126	0.999791
XLOC_001048	XLOC_001048	SMYD2	chr1:214454564-214510477	0.124156	0.999791
XLOC_010166	XLOC_010166	RNF138	chr18:29671817-29711524	0.124166	0.999791
XLOC_013675	XLOC_013675	KCNK15	chr20:43374487-43438979	0.124241	1
XLOC_001239	XLOC_001239	ACOT7	chr1:6324331-6453826	0.124246	0.999791
XLOC_003799	XLOC_003799	CUL5	chr11:107879407-107978488	0.124272	0.999791
XLOC_016633	XLOC_016633	TMEM129	chr4:1717678-1723084	0.124288	0.999791
XLOC_010573	XLOC_010573	MRPL4	chr19:10362639-10370736	0.124317	0.999791
XLOC_003328	XLOC_003328	SBF2-AS1	chr11:9776316-10315754	0.124349	0.999791
XLOC_009982	XLOC_009982	EVPL	chr17:74002926-74023507	0.124425	0.999791
XLOC_000508	XLOC_000508	RPAP2	chr1:92711954-92853732	0.124431	0.999791
XLOC_005534	XLOC_005534	PRIM1	chr12:57125363-57146146	0.124518	0.999791
XLOC_011309	XLOC_011309	MFS12	chr19:3538262-3557571	0.124565	0.999791
XLOC_021396	XLOC_021396	ATG9B	chr7:150688143-150721586	0.124607	0.999791
XLOC_021889	XLOC_021889	MTMR7	chr8:17104400-17271040	0.124617	0.999791
XLOC_009792	XLOC_009792	PLEKHM1	chr17:43513265-43568146	0.124632	0.999791
XLOC_010947	XLOC_010947	GIPR	chr19:46171501-46185717	0.124655	0.999791
XLOC_008314	XLOC_008314	RGS11	chr16:318309-325914	0.124664	0.999791
XLOC_005200	XLOC_005200	NOC4L	chr12:132628992-132636986	0.124666	0.999791
XLOC_018815	XLOC_018815	BAK1	chr6:33540322-33548070	0.124777	0.999791
XLOC_020840	XLOC_020840	ZNF783	chr7:148959261-148982085	0.124783	0.999791
XLOC_022578	XLOC_022578	SLC25A25	chr9:130830478-130871537	0.124807	0.999791
XLOC_014056	XLOC_014056	SYCP2	chr20:58438617-58507209	0.124832	1
XLOC_003200	XLOC_003200	STK32C	chr10:134020995-134121477	0.124845	0.999791
XLOC_021482	XLOC_021482	SLC7A2	chr8:17354596-17428077	0.124888	0.999791
XLOC_011269	XLOC_011269	R3HDM4	chr19:896502-913225	0.124899	0.999791
XLOC_010006	XLOC_010006	USP36	chr17:76792964-76836969	0.125073	0.999791
XLOC_005206	XLOC_005206	ZNF26	chr12:133562933-133589154	0.125093	0.999791
XLOC_013644	XLOC_013644	RPRD1B	chr20:36661947-36720766	0.125184	0.999791
XLOC_011983	XLOC_011983	ZSCAN5A	chr19:56732678-56739659	0.125284	0.999791
XLOC_012571	XLOC_012571	COQ10B	chr2:198318230-198339851	0.125359	0.999791
XLOC_017361	XLOC_017361	WDR55	chr5:140044383-140053171	0.125435	0.999791
XLOC_012135	XLOC_012135	LTBP1	chr2:33172368-33624575	0.125473	0.999791
XLOC_007397	XLOC_007397	ZNF710	chr15:90544751-90625432	0.125531	0.999791
XLOC_022779	XLOC_022779	DDX58	chr9:32455299-32526322	0.125556	0.999791
XLOC_009934	XLOC_009934	FAM20A	chr17:66507920-66597095	0.125619	1
XLOC_016760	XLOC_016760	CENPC1	chr4:68337988-68411256	0.125619	0.999791
XLOC_001699	XLOC_001699	ALX3	chr11:110602996-110613322	0.125724	0.999791
XLOC_013597	XLOC_013597	MAPRE1	chr20:31407698-31438211	0.125759	0.999791
XLOC_002273	XLOC_002273	CHML	chr1:241695433-241803701	0.125793	0.999791
XLOC_018256	XLOC_018256	PPARD	chr6:35310334-35395968	0.125834	0.999791
XLOC_020906	XLOC_020906	BRAT1	chr7:2577443-2595392	0.125842	0.999791
XLOC_016479	XLOC_016479	SNHG8	chr4:119199916-119200978	0.125924	0.999791
XLOC_019134	XLOC_019134	PPIL4	chr6:149825630-149867238	0.125939	0.999791
XLOC_003238	XLOC_003238	AP2A2	chr11:925808-1012245	0.125988	0.999791
XLOC_012183	XLOC_012183	C2orf73	chr2:54558070-54588714	0.126014	1
XLOC_014388	XLOC_014388	C21orf58	chr21:47721046-47743785	0.126066	0.999791
XLOC_012329	XLOC_012329	MRPL30	chr2:99797541-99816020	0.126151	0.999791
XLOC_007013	XLOC_007013	HERC2P7	chr15:23390721-23393943	0.126218	0.999791
XLOC_014495	XLOC_014495	RFPL1	chr22:29833003-29838444	0.126218	1
XLOC_009979	XLOC_009979	MRPL38	chr17:73894723-73901181	0.126233	0.999791
XLOC_015069	XLOC_015069	LARS2	chr3:45430074-45590328	0.126326	0.999791
XLOC_004999	XLOC_004999	GLIPR1	chr12:75874512-75905418	0.12663	0.999791
XLOC_002315	XLOC_002315	IDI2-AS1	chr10:1064846-1095061	0.126655	0.999791
XLOC_007284	XLOC_007284	HEXA-AS1	chr15:72635777-72671129	0.126789	1
XLOC_010714	XLOC_010714	GATAD2A	chr19:19496641-19619741	0.126798	0.999791
XLOC_009169	XLOC_009169	SPATA20	chr17:48624449-48633213	0.126818	0.999791
XLOC_007939	XLOC_007939	CLEC16A	chr16:11038344-11276046	0.126835	0.999791
XLOC_005399	XLOC_005399	SLC38A1	chr12:46576840-46663208	0.127056	0.999791
XLOC_011379	XLOC_011379	TIMM44	chr19:7991602-8008708	0.127072	0.999791
XLOC_005605	XLOC_005605	CCDC59	chr12:82746082-82873016	0.127073	0.999791
XLOC_018532	XLOC_018532	AIG1	chr6:143382022-143661441	0.12709	0.999791
XLOC_009949	XLOC_009949	MGC16275	chr17:72206134-72209460	0.12717	0.999791
XLOC_012169	XLOC_012169	SOCS5	chr2:46926098-46989927	0.127177	0.999791
XLOC_009518	XLOC_009518	ZSWIM7	chr17:15879874-15932723	0.127197	0.999791
XLOC_009372	XLOC_009372	CRK	chr17:1324646-1359561	0.127225	0.999791
XLOC_014559	XLOC_014559	CBY1	chr22:39052657-39069855	0.127229	0.999791
XLOC_016015	XLOC_016015	MBNL1-AS1	chr3:151980404-152183569	0.127348	1
XLOC_003608	XLOC_003608	POLA2	chr11:65029431-65065088	0.127451	0.999791
XLOC_008148	XLOC_008148	KATNB1	chr16:57769659-57791162	0.127503	0.999791
XLOC_014515	XLOC_014515	DRG1	chr22:31795638-31830172	0.127526	0.999791
XLOC_018606	XLOC_018606	FAM120B	chr6:170615843-170714237	0.127542	0.999791
XLOC_020680	XLOC_020680	LRRC17	chr7:102453307-102715288	0.127548	1
XLOC_011248	XLOC_011248	ZNF584	chr19:58920062-58929692	0.127604	0.999791
XLOC_006374	XLOC_006374	PSMA3	chr14:58711522-58764855	0.127627	0.999791
XLOC_006001	XLOC_006001	CUL4A	chr13:113863085-113919392	0.127632	0.999791
XLOC_012527	XLOC_012527	HOXD9	chr2:176987412-176989645	0.127648	0.999791
XLOC_017387	XLOC_017387	PCDHGA1,PCDHGA10,PCDHGA	chr5:140710251-140892548	0.127675	0.999791

XLOC_006739	XLOC_006739	DHRS1	chr14:24759803-24769039	0.127728	0.999791
XLOC_009015	XLOC_009015	MRPL45	chr17:36452988-36479101	0.127737	0.999791
XLOC_023544	XLOC_023544	FAM199X	chrX:103411155-103440582	0.127764	0.999791
XLOC_016427	XLOC_016427	FAM13A-AS1	chr4:89630939-89978346	0.127789	1
XLOC_001464	XLOC_001464	INPP5B	chr1:38326368-38412729	0.127832	0.999791
XLOC_020981	XLOC_020981	HOXA10,HOXA9	chr7:27202056-27219880	0.127857	0.999791
XLOC_018060	XLOC_018060	NOL7	chr6:13615558-13621127	0.127954	0.999791
XLOC_018996	XLOC_018996	LYRM2	chr6:90142896-90348474	0.127954	0.999791
XLOC_007170	XLOC_007170	HAUS2	chr15:42841010-42862190	0.127957	0.999791
XLOC_004833	XLOC_004833	TMBIM6	chr12:50135292-50158717	0.127967	0.999791
XLOC_020836	XLOC_020836	CUL1	chr7:148395932-148498202	0.127998	0.999791
XLOC_008277	XLOC_008277	MAP1LC3B	chr16:87425800-87438380	0.128008	0.999791
XLOC_002380	XLOC_002380	MSRB2	chr10:23384426-23410942	0.128014	0.999791
XLOC_021229	XLOC_021229	FIS1	chr7:100882892-100888371	0.128247	0.999791
XLOC_011419	XLOC_011419	CDC37	chr19:10501808-10514271	0.128265	0.999791
XLOC_018457	XLOC_018457	NT5DC1	chr6:116421998-116566853	0.128337	0.999791
XLOC_006092	XLOC_006092	KBTBD6	chr13:41701708-41706936	0.128555	0.999791
XLOC_014084	XLOC_014084	ARFRP1	chr20:62289162-62367494	0.128556	0.999791
XLOC_012743	XLOC_012743	DUSP28	chr2:241499470-241503431	0.128562	0.999791
XLOC_004432	XLOC_004432	NARS2	chr11:78147006-78285909	0.128621	0.999791
XLOC_012041	XLOC_012041	ASAP2	chr2:9346893-9545812	0.128625	0.999791
XLOC_018778	XLOC_018778	ZBTB12	chr6:31865561-31913449	0.128661	0.999791
XLOC_004648	XLOC_004648	LRTM2	chr12:1901122-2027870	0.128693	1
XLOC_018997	XLOC_018997	MDN1	chr6:90353230-90529442	0.128851	0.999791
XLOC_005789	XLOC_005789	DDX51	chr12:132621139-132628880	0.128853	0.999791
XLOC_022398	XLOC_022398	RPSAP9	chr9:79013514-79014954	0.128896	0.999791
XLOC_012045	XLOC_012045	GRHL1	chr2:10091791-10142412	0.128988	0.999791
XLOC_006109	XLOC_006109	ZC3H13	chr13:46536313-46626894	0.12905	0.999791
XLOC_014219	XLOC_014219	ADARB1	chr21:46494492-46646478	0.129075	0.999791
XLOC_018210	XLOC_018210	C6orf48	chr6:31802692-31807541	0.129083	0.999791
XLOC_012934	XLOC_012934	CCT4	chr2:62095261-62115806	0.129093	0.999791
XLOC_005724	XLOC_005724	TESC	chr12:117476727-117537251	0.129115	0.999791
XLOC_021695	XLOC_021695	POLR2K	chr8:101162838-101166230	0.129206	0.999791
XLOC_008130	XLOC_008130	NUP93	chr16:56764016-56878861	0.129318	0.999791
XLOC_021789	XLOC_021789	EXOSC4	chr8:145133521-145135551	0.129371	0.999791
XLOC_005275	XLOC_005275	LINC00612	chr12:9208184-9217666	0.129404	1
XLOC_010708	XLOC_010708	DDX49	chr19:19030483-19039442	0.12942	0.999791
XLOC_016170	XLOC_016170	UVSSA	chr4:1341103-1381837	0.129432	0.999791
XLOC_008171	XLOC_008171	E2F4	chr16:67226067-67232821	0.129444	0.999791
XLOC_008904	XLOC_008904	PRPSAP2	chr17:18759611-18834599	0.129513	0.999791
XLOC_013726	XLOC_013726	FAM210B	chr20:54933982-54943718	0.129621	0.999791
XLOC_018348	XLOC_018348	PAQR8	chr6:52226925-52227575	0.129704	0.999791
XLOC_005483	XLOC_005483	SPRYD3	chr12:53436972-53473204	0.129705	0.999791
XLOC_009363	XLOC_009363	RPH3AL	chr17:62179-202633	0.129705	0.999791
XLOC_019165	XLOC_019165	TCP1	chr6:160181290-160210735	0.129752	0.999791
XLOC_011786	XLOC_011786	SLC1A5	chr19:47278139-47291842	0.129757	0.999791
XLOC_008289	XLOC_008289	ACSF3	chr16:89160216-89222171	0.130077	0.999791
XLOC_008712	XLOC_008712	FENDRR	chr16:86508130-86542466	0.130091	1
XLOC_008364	XLOC_008364	ABCA3	chr16:2325878-2390747	0.130107	0.999791
XLOC_000676	XLOC_000676	RPRD2	chr1:150336989-150449041	0.130131	0.999791
XLOC_012560	XLOC_012560	PMS1	chr2:190634992-190742355	0.130154	0.999791
XLOC_011943	XLOC_011943	LILRA6	chr19:54740468-54746724	0.130199	1
XLOC_016514	XLOC_016514	ELMOD2	chr4:141445311-141474924	0.130299	0.999791
XLOC_013852	XLOC_013852	FERMT1	chr20:6055491-6104191	0.130318	0.999791
XLOC_013703	XLOC_013703	NCOA3	chr20:46130600-46285621	0.130334	0.999791
XLOC_017680	XLOC_017680	LOC100303749	chr5:65222381-65376851	0.130339	1
XLOC_014863	XLOC_014863	RRP7A	chr22:42896584-42915829	0.130414	0.999791
XLOC_005428	XLOC_005428	PRKAG1	chr12:49396054-49412629	0.130425	0.999791
XLOC_006810	XLOC_006810	NID2	chr14:52471519-52535946	0.130436	1
XLOC_008310	XLOC_008310	POLR3K	chr16:96978-103632	0.130447	0.999791
XLOC_019002	XLOC_019002	NDUF4F4	chr6:97337186-97345767	0.130544	0.999791
XLOC_011319	XLOC_011319	EEF2	chr19:3976053-3985461	0.130645	0.999791
XLOC_005455	XLOC_005455	GALNT6	chr12:51745832-51909547	0.130716	0.999791
XLOC_015656	XLOC_015656	KIAA1143	chr3:44790235-44803173	0.130734	0.999791
XLOC_003183	XLOC_003183	FLJ37035	chr10:127371811-127408062	0.130737	1
XLOC_021778	XLOC_021778	ZNF696	chr8:144373558-144382120	0.130743	0.999791
XLOC_000332	XLOC_000332	TIE1	chr1:43766565-43788781	0.13084	1
XLOC_008193	XLOC_008193	PRMT7	chr16:68344876-68391169	0.130933	0.999791
XLOC_015482	XLOC_015482	EIF4G1	chr3:184032282-184053146	0.13097	0.999791
XLOC_001346	XLOC_001346	HNRNPR	chr1:23636275-23670853	0.130981	0.999791
XLOC_005661	XLOC_005661	NT5DC3	chr12:104166080-104234975	0.130989	0.999791
XLOC_020841	XLOC_020841	LOC155060	chr7:148982371-148994403	0.131008	0.999791
XLOC_000688	XLOC_000688	GABPB2	chr1:151043079-151091007	0.131131	0.999791
XLOC_018473	XLOC_018473	ASF1A	chr6:119134611-119256327	0.131164	0.999791
XLOC_019051	XLOC_019051	TSPYL1	chr6:116596021-116601280	0.131251	0.999791
XLOC_023345	XLOC_023345	RP2	chrX:46696346-46741791	0.131325	0.999791
XLOC_022202	XLOC_022202	TSNARE1	chr8:143293440-143484543	0.131375	0.999791
XLOC_000278	XLOC_000278	NCDN	chr1:36023392-36032380	0.131454	0.999791
XLOC_015704	XLOC_015704	IMPDH2	chr3:49061761-49066875	0.131458	0.999791

XLOC_013692	XLOC_013692	ZSWIM3	chr20:44486219-44507769	0.131476	0.999791
XLOC_004765	XLOC_004765	SLCO1B7	chr12:21168629-21243040	0.131541	1
XLOC_011638	XLOC_011638	ZNF573	chr19:38229202-38270230	0.131603	1
XLOC_015355	XLOC_015355	PCCB	chr3:135969166-136049013	0.131643	0.999791
XLOC_002007	XLOC_002007	NME7	chr1:169075946-169337186	0.131666	0.999791
XLOC_019068	XLOC_019068	HDCC2	chr6:125596495-125623282	0.13167	0.999791
XLOC_013173	XLOC_013173	GTDC1	chr2:144703580-145090083	0.131704	0.999791
XLOC_017288	XLOC_017288	SNX24	chr5:122181159-122344902	0.131815	0.999791
XLOC_016877	XLOC_016877	CXXC4	chr4:105389462-105416058	0.131887	1
XLOC_010816	XLOC_010816	ZNF567	chr19:37180301-37212225	0.132043	0.999791
XLOC_001628	XLOC_001628	MCOLN3	chr1:85483764-85514223	0.132104	0.999791
XLOC_005078	XLOC_005078	BTBD11	chr12:107712196-108053419	0.132154	0.999791
XLOC_008884	XLOC_008884	MPRIP	chr17:16946073-17095962	0.132173	0.999791
XLOC_005023	XLOC_005023	NUDT4	chr12:93771700-93797024	0.132203	0.999791
XLOC_005586	XLOC_005586	ZFC3H1	chr12:72003378-72074428	0.132213	0.999791
XLOC_002204	XLOC_002204	NVL	chr1:224415035-224517891	0.132218	0.999791
XLOC_008426	XLOC_008426	RSL1D1	chr16:11928054-11945442	0.132228	0.999791
XLOC_023600	XLOC_023600	XIAP	chrX:122993661-123047829	0.132314	0.999791
XLOC_003382	XLOC_003382	ELP4	chr1:131531296-131805329	0.132355	0.999791
XLOC_022614	XLOC_022614	EXOSC2	chr9:133569157-133580452	0.132356	0.999791
XLOC_021536	XLOC_021536	LEPROTL1	chr8:29920257-30108213	0.132528	0.999791
XLOC_013902	XLOC_013902	NINL	chr20:25433337-25566153	0.132531	0.999791
XLOC_000459	XLOC_000459	TYW3	chr1:75171171-75232360	0.13254	0.999791
XLOC_005242	XLOC_005242	NOP2	chr12:6666035-6677498	0.132641	0.999791
XLOC_002802	XLOC_002802	IL15RA	chr10:5994333-6020150	0.132661	0.999791
XLOC_016473	XLOC_016473	ANK2	chr4:113739238-114304896	0.13278	1
XLOC_009128	XLOC_009128	NSF	chr17:44668034-44834828	0.132785	0.999791
XLOC_004373	XLOC_004373	MRPL21	chr11:68658745-68671303	0.132832	0.999791
XLOC_015303	XLOC_015303	UMPS	chr3:124449212-124468119	0.132903	0.999791
XLOC_008872	XLOC_008872	ADORA2B	chr17:15848230-15879210	0.132923	0.999791
XLOC_009275	XLOC_009275	ICT1	chr17:73008779-73017356	0.132937	0.999791
XLOC_008172	XLOC_008172	ELMO3	chr16:67233027-67237927	0.132988	0.999791
XLOC_005106	XLOC_005106	MAPKAPK5	chr12:112277572-112331228	0.133122	0.999791
XLOC_009392	XLOC_009392	METTL16	chr17:2319347-2415200	0.133145	0.999791
XLOC_021433	XLOC_021433	KBTBD11	chr8:1922043-1955109	0.133145	0.999791
XLOC_002797	XLOC_002797	TUBAL3	chr10:5435060-5446793	0.133161	0.999791
XLOC_020891	XLOC_020891	PDGFA	chr7:536896-559481	0.133224	0.999791
XLOC_018860	XLOC_018860	UNC5CL	chr6:40994639-41006938	0.133398	0.999791
XLOC_001639	XLOC_001639	CCBL2,RBMXL1	chr1:89401455-89458643	0.133413	0.999791
XLOC_012860	XLOC_012860	MEMO1	chr2:32092893-32235698	0.133431	0.999791
XLOC_016752	XLOC_016752	PPAT	chr4:57259528-57301802	0.133435	0.999791
XLOC_024067	XLOC_024067	APLN	chrX:128779235-128788933	0.133469	0.999791
XLOC_001577	XLOC_001577	MYSM1	chr1:59120410-59165747	0.133518	0.999791
XLOC_010038	XLOC_010038	OXLD1	chr17:79632065-79633618	0.133606	0.999791
XLOC_006481	XLOC_006481	ZC3H14	chr14:89029252-89079853	0.133624	0.999791
XLOC_001809	XLOC_001809	CDC42SE1	chr1:151020258-151032125	0.133626	0.999791
XLOC_022562	XLOC_022562	PBX3	chr9:128509616-128729655	0.133663	0.999791
XLOC_022604	XLOC_022604	LOC100506190	chr9:132250938-132275965	0.133671	0.999791
XLOC_012498	XLOC_012498	BBS5	chr2:170336005-170363165	0.133711	0.999791
XLOC_015120	XLOC_015120	MAPKAPK3	chr3:50649292-50686728	0.133717	0.999791
XLOC_003341	XLOC_003341	FAR1	chr11:13690205-13753893	0.133756	0.999791
XLOC_017465	XLOC_017465	WWC1	chr5:167719064-167899308	0.13378	0.999791
XLOC_008197	XLOC_008197	TANGO6	chr16:68877508-69119085	0.133792	0.999791
XLOC_014798	XLOC_014798	EIF3D	chr22:36906896-36925277	0.1338	0.999791
XLOC_010695	XLOC_010695	MPV17L2	chr19:18304039-18307550	0.133824	0.999791
XLOC_018729	XLOC_018729	IFITM4P	chr6:29718583-29718925	0.133846	1
XLOC_010794	XLOC_010794	COX6B1	chr19:36139124-36149686	0.133898	0.999791
XLOC_005742	XLOC_005742	LOC100506668	chr12:120907659-120936298	0.133901	0.999791
XLOC_023810	XLOC_023810	DYNLT3	chrX:37698088-37706889	0.13396	0.999791
XLOC_011412	XLOC_011412	DNMT1	chr19:10244021-10305755	0.13397	0.999791
XLOC_018604	XLOC_018604	C6orf70	chr6:170151720-170181617	0.133991	0.999791
XLOC_011007	XLOC_011007	FTL	chr19:49468565-49470136	0.134221	0.999791
XLOC_000955	XLOC_000955	C1orf53	chr1:197871681-197876497	0.134315	0.999791
XLOC_000374	XLOC_000374	DMBX1	chr1:46972667-46979886	0.134325	0.999791
XLOC_010869	XLOC_010869	SNRPA	chr19:41256758-41271297	0.134329	0.999791
XLOC_005774	XLOC_005774	EIF2B1	chr12:124105569-124147151	0.134372	0.999791
XLOC_023611	XLOC_023611	SLC25A14	chrX:129474046-129507335	0.134374	0.999791
XLOC_023845	XLOC_023845	SLC35A2	chrX:48760458-48769235	0.134416	0.999791
XLOC_010602	XLOC_010602	ZNF440	chr19:11925106-11946016	0.13445	0.999791
XLOC_021548	XLOC_021548	ERLIN2	chr8:37594096-37615319	0.134514	0.999791
XLOC_012648	XLOC_012648	BCS1L	chr2:219524378-219528166	0.134649	0.999791
XLOC_006928	XLOC_006928	EFCAB11	chr14:90263468-90421089	0.134768	0.999791
XLOC_006775	XLOC_006775	SLC25A21	chr14:37147125-37642998	0.134829	0.999791
XLOC_011354	XLOC_011354	KHSRP	chr19:6413118-6424822	0.134888	0.999791
XLOC_000229	XLOC_000229	SESN2	chr1:28585962-28609002	0.134911	0.999791
XLOC_000746	XLOC_000746	FLAD1	chr1:154955769-154965587	0.134914	0.999791
XLOC_011210	XLOC_011210	ZNF71	chr19:57106663-57135544	0.134914	0.999791
XLOC_020405	XLOC_020405	SNX10	chr7:26331514-26413949	0.134995	0.999791
XLOC_018059	XLOC_018059	SIRT5	chr6:13574760-13615390	0.135005	0.999791

XLOC_016253	XLOC_016253	LAP3	chr4:17578926-17609590	0.13505	0.999791
XLOC_016297	XLOC_016297	SLC30A9	chr4:41992522-42089551	0.13505	0.999791
XLOC_005105	XLOC_005105	ALDH2	chr12:112204690-112247789	0.13509	0.999791
XLOC_010440	XLOC_010440	WDR18	chr19:984327-994569	0.135139	0.999791
XLOC_007725	XLOC_007725	MTHFS,ST20,ST20-MTHFS	chr15:80135888-80217196	0.135218	0.999791
XLOC_002180	XLOC_002180	ANGEL2	chr1:213165523-213189168	0.135252	0.999791
XLOC_002584	XLOC_002584	IFIT5	chr10:91174324-91180759	0.135291	0.999791
XLOC_023126	XLOC_023126	DDX31	chr9:135469675-135565470	0.135315	0.999791
XLOC_017813	XLOC_017813	CDKN2AIPNL	chr5:133737755-133747598	0.135336	0.999791
XLOC_017603	XLOC_017603	AMACR,C1QTNF3	chr5:33987090-34124633	0.135404	0.999791
XLOC_015589	XLOC_015589	MRPS25	chr3:14984285-15106816	0.135424	0.999791
XLOC_001517	XLOC_001517	CCDC17	chr1:46085715-46089731	0.135425	1
XLOC_010938	XLOC_010938	PPP1R37	chr19:45596430-45650543	0.135447	0.999791
XLOC_012799	XLOC_012799	FAM49A	chr2:16730729-16847134	0.135489	1
XLOC_004403	XLOC_004403	C2CD3	chr1:73745479-73882064	0.135507	1
XLOC_014034	XLOC_014034	ZNF217	chr20:52183609-52199636	0.135575	0.999791
XLOC_000053	XLOC_000053	RNF207	chr1:6266188-6296044	0.135706	0.999791
XLOC_003396	XLOC_003396	NAT10	chr11:34127110-34168458	0.135707	0.999791
XLOC_009408	XLOC_009408	CAMKK1	chr17:3763616-3796337	0.135719	0.999791
XLOC_001795	XLOC_001795	SF3B4	chr1:149895208-149900144	0.135721	0.999791
XLOC_015911	XLOC_015911	CCDC14	chr3:123632273-123680255	0.135757	0.999791
XLOC_007210	XLOC_007210	GABPB1-AS1	chr15:50569388-506509503	0.135897	0.999791
XLOC_021041	XLOC_021041	DDX56	chr7:44605015-44614137	0.136	0.999791
XLOC_013898	XLOC_013898	ACSS1	chr20:24986865-25038818	0.136018	0.999791
XLOC_011158	XLOC_011158	PRPF31	chr19:54610319-54635150	0.136074	0.999791
XLOC_001913	XLOC_001913	GPATCH4	chr1:156564099-156571279	0.136157	0.999791
XLOC_023613	XLOC_023613	FAM45B	chrX:129628914-129631421	0.136313	1
XLOC_023998	XLOC_023998	SLC25A53	chrX:103139054-103401708	0.136358	1
XLOC_021218	XLOC_021218	TFR2	chr7:100218038-100239173	0.136387	0.999791
XLOC_002677	XLOC_002677	PDCD11	chr10:105156411-105206019	0.136431	0.999791
XLOC_011636	XLOC_011636	ZNF781	chr19:38158649-38183216	0.136441	1
XLOC_011291	XLOC_011291	AP3D1	chr19:2100986-2151556	0.136649	0.999791
XLOC_011920	XLOC_011920	ZNF28	chr19:53300660-53324922	0.136654	0.999791
XLOC_009387	XLOC_009387	TSR1	chr17:2207247-2240678	0.136676	0.999791
XLOC_017360	XLOC_017360	IK	chr5:140027383-140042065	0.136726	0.999791
XLOC_011080	XLOC_011080	ZNF766	chr19:52772823-52795976	0.136836	0.999791
XLOC_001480	XLOC_001480	TRIT1	chr1:40306705-40349177	0.136915	0.999791
XLOC_023904	XLOC_023904	AMER1	chrX:63404996-63425624	0.136958	0.999791
XLOC_004172	XLOC_004172	PSMC3	chr1:47440319-47448024	0.136967	0.999791
XLOC_018027	XLOC_018027	NQO2	chr6:3000066-3019994	0.137042	0.999791
XLOC_017161	XLOC_017161	SLC30A5	chr5:68389775-68426899	0.137083	0.999791
XLOC_007970	XLOC_007970	TMC5	chr16:19422056-19510434	0.137116	0.999791
XLOC_015349	XLOC_015349	TF	chr3:133464976-133497850	0.137155	1
XLOC_001091	XLOC_001091	IBA57	chr1:228353428-228369958	0.137232	0.999791
XLOC_023823	XLOC_023823	FUNDC1	chrX:44382884-44402221	0.137265	0.999791
XLOC_009172	XLOC_009172	LUC7L3	chr17:48796925-48830072	0.137333	0.999791
XLOC_015391	XLOC_015391	HPS3	chr3:148847370-148939832	0.137424	0.999791
XLOC_014203	XLOC_014203	C21orf33	chr21:45553493-45565605	0.137432	0.999791
XLOC_023280	XLOC_023280	TXLNG	chrX:16804554-16862642	0.137544	0.999791
XLOC_004771	XLOC_004771	CMAS	chr12:22199109-22218606	0.137556	0.999791
XLOC_006430	XLOC_006430	RBM25	chr14:73525220-73588076	0.137668	0.999791
XLOC_002591	XLOC_002591	TNKS2	chr10:93558150-93625232	0.137701	0.999791
XLOC_015093	XLOC_015093	ZNF589	chr3:48282595-48312479	0.137706	0.999791
XLOC_018435	XLOC_018435	LACE1	chr6:108616097-108844251	0.137817	0.999791
XLOC_012287	XLOC_012287	RMND5A	chr2:86730552-87005164	0.137829	0.999791
XLOC_003541	XLOC_003541	TMEM138	chr11:61066918-61136975	0.137838	0.999791
XLOC_018315	XLOC_018315	POLR1C	chr6:43484776-43489246	0.137854	0.999791
XLOC_019129	XLOC_019129	SHPRH	chr6:145946439-146285233	0.138053	0.999791
XLOC_017567	XLOC_017567	NSUN2	chr5:6599351-6633473	0.138073	0.999791
XLOC_005563	XLOC_005563	C12orf66	chr12:64586418-64616076	0.138099	0.999791
XLOC_009508	XLOC_009508	ELAC2	chr17:12692828-12921381	0.138125	0.999791
XLOC_007446	XLOC_007446	LOC646214	chr15:21932513-21940739	0.138191	1
XLOC_011690	XLOC_011690	B9D2	chr19:41860321-41889987	0.138239	0.999791
XLOC_015626	XLOC_015626	UBP1	chr3:33429828-33481897	0.138299	0.999791
XLOC_017889	XLOC_017889	CSNK1A1	chr5:148875456-148931115	0.1383	0.999791
XLOC_018646	XLOC_018646	NEDD9	chr6:11183530-11382581	0.138317	1
XLOC_008739	XLOC_008739	LOC100130015	chr16:90089007-90114191	0.138335	0.999791
XLOC_018619	XLOC_018619	SERPINB6	chr6:2948392-2972399	0.138342	0.999791
XLOC_019159	XLOC_019159	EZR	chr6:159186772-159240456	0.138355	0.999791
XLOC_002016	XLOC_002016	KIFAP3	chr1:169890469-170043879	0.138359	0.999791
XLOC_016641	XLOC_016641	NOP1A	chr4:2937277-2965118	0.138381	0.999791
XLOC_011402	XLOC_011402	ZNF121	chr19:9676291-9695209	0.138508	0.999791
XLOC_001043	XLOC_001043	FLVCR1	chr1:213031596-213072705	0.138521	0.999791
XLOC_011223	XLOC_011223	ZNF17	chr19:57922528-57933307	0.138573	0.999791
XLOC_010893	XLOC_010893	ZNF526	chr19:42724491-42732353	0.138618	0.999791
XLOC_007481	XLOC_007481	WHAMMP1	chr15:32812048-32825942	0.138645	0.999791
XLOC_022270	XLOC_022270	RCL1	chr9:4792833-4861064	0.13891	0.999791
XLOC_001413	XLOC_001413	FABP3	chr1:31838099-31845923	0.138957	1
XLOC_008456	XLOC_008456	ERI2	chr16:20775311-20860990	0.138981	0.999791

XLOC_002366	XLOC_002366	TMEM236	chr10:18041226-18089854	0.139	1
XLOC_013408	XLOC_013408	SP110	chr2:231033644-231090444	0.139139	0.999791
XLOC_014218	XLOC_014218	FAM207A	chr21:46359954-46396888	0.139139	0.999791
XLOC_022472	XLOC_022472	GALNT12	chr9:101569980-101612363	0.139165	0.999791
XLOC_007147	XLOC_007147	RPUSD2	chr15:40861536-40866661	0.139191	0.999791
XLOC_009381	XLOC_009381	MIR22.MIR22HG	chr17:1614797-1619566	0.139266	0.999791
XLOC_016366	XLOC_016366	DCK	chr4:71859264-71896629	0.139317	0.999791
XLOC_018364	XLOC_018364	BAG2	chr6:57037103-57050012	0.139331	0.999791
XLOC_020768	XLOC_020768	AGBL3	chr7:134671258-134820530	0.139332	1
XLOC_005856	XLOC_005856	EXOSC8	chr13:37574677-37633850	0.139402	0.999791
XLOC_015923	XLOC_015923	SLC41A3	chr3:125725199-125820391	0.139439	0.999791
XLOC_021589	XLOC_021589	RGS20	chr8:54764367-54871863	0.139561	1
XLOC_014999	XLOC_014999	GPD1L	chr3:32148002-32210207	0.139606	0.999791
XLOC_015647	XLOC_015647	SEC22C	chr3:42589458-42690233	0.139675	0.999791
XLOC_000927	XLOC_000927	LAMC2	chr1:183155173-183214262	0.139681	1
XLOC_018649	XLOC_018649	TBC1D7	chr6:13305183-13328787	0.1397	0.999791
XLOC_020971	XLOC_020971	HNRNPA2B1	chr7:26229555-26240413	0.1397	0.999791
XLOC_002742	XLOC_002742	ACADSB	chr10:124768428-124817806	0.139953	0.999791
XLOC_023517	XLOC_023517	DRP2	chrX:100474932-100519485	0.139981	1
XLOC_002893	XLOC_002893	HNRNPF	chr10:43881064-43904696	0.140013	0.999791
XLOC_020784	XLOC_020784	TBXAS1	chr7:139478046-139720125	0.140074	1
XLOC_023135	XLOC_023135	SURF1	chr9:136218665-136223361	0.14009	0.999791
XLOC_002219	XLOC_002219	CDC42BPA	chr1:227177565-227505826	0.140233	0.999791
XLOC_005734	XLOC_005734	GCN1L1	chr12:120565013-120632513	0.140244	0.999791
XLOC_016873	XLOC_016873	SLC9B2	chr4:103946651-103998170	0.140279	0.999791
XLOC_001458	XLOC_001458	GNL2	chr1:38022519-38061586	0.140323	0.999791
XLOC_018350	XLOC_018350	LOC730101	chr6:52529198-52533951	0.140333	0.999791
XLOC_009430	XLOC_009430	NUP88	chr17:5289345-5342471	0.140338	0.999791
XLOC_007798	XLOC_007798	PRKXP1	chr15:101087956-101099488	0.140357	1
XLOC_006685	XLOC_006685	OSGEP	chr14:20915206-20923267	0.14045	0.999791
XLOC_020954	XLOC_020954	SP8	chr7:20821893-20826508	0.140456	1
XLOC_020695	XLOC_020695	CBL1	chr7:107384278-107402083	0.14048	0.999791
XLOC_004784	XLOC_004784	REP15	chr12:27849427-27850566	0.140561	0.999791
XLOC_005936	XLOC_005936	UCHL3	chr13:76123615-76180156	0.140637	0.999791
XLOC_022638	XLOC_022638	SURF2	chr9:136223420-136228040	0.140698	0.999791
XLOC_016118	XLOC_016118	MB21D2	chr3:192514604-192635950	0.140712	0.999791
XLOC_011732	XLOC_011732	SMG9	chr19:44235300-44259142	0.140889	0.999791
XLOC_016287	XLOC_016287	UGDH-AS1	chr4:39529458-39640481	0.140972	0.999791
XLOC_018715	XLOC_018715	SCAND3	chr6:28539406-28555112	0.141018	0.999791
XLOC_005198	XLOC_005198	SNORA49	chr12:132434464-132565011	0.141043	0.999791
XLOC_000033	XLOC_000033	SKI	chr1:2160133-2241652	0.141059	0.999791
XLOC_012321	XLOC_012321	LOC728537	chr2:98286205-98319529	0.141266	0.999791
XLOC_004618	XLOC_004618	FLJ39051	chr11:126173646-126225482	0.141352	0.999791
XLOC_018738	XLOC_018738	HCG18	chr6:30201815-30314635	0.141383	0.999791
XLOC_015712	XLOC_015712	C3orf62	chr3:49306029-49314508	0.14148	0.999791
XLOC_017014	XLOC_017014	DCTD	chr4:183811243-183838630	0.141542	0.999791
XLOC_021755	XLOC_021755	EFR3A	chr8:132916355-133025886	0.1416	0.999791
XLOC_005758	XLOC_005758	VPS33A	chr12:122716093-122751068	0.141621	0.999791
XLOC_009330	XLOC_009330	RPTOR	chr17:78518624-78940173	0.14164	0.999791
XLOC_012314	XLOC_012314	FER1L5	chr2:97308573-97370624	0.141699	1
XLOC_020950	XLOC_020950	TWISTNB	chr7:19735084-19748660	0.141746	0.999791
XLOC_009783	XLOC_009783	GFAP	chr17:42982993-42992920	0.14179	1
XLOC_014430	XLOC_014430	THAP7-AS1	chr22:1354060-21368576	0.141844	0.999791
XLOC_018907	XLOC_018907	TNFRSF21	chr6:47199267-47277680	0.1419	0.999791
XLOC_016146	XLOC_016146	WDR53	chr3:196281058-196295413	0.141934	0.999791
XLOC_021488	XLOC_021488	INTS10	chr8:19674917-19709586	0.141943	0.999791
XLOC_003320	XLOC_003320	AKIP1	chr11:8932700-8954553	0.141956	0.999791
XLOC_002689	XLOC_002689	DUSP5	chr10:112257624-112271302	0.141985	0.999791
XLOC_005440	XLOC_005440	BCDIN3D	chr12:50222325-50236912	0.142066	0.999791
XLOC_000498	XLOC_000498	LRRCSB	chr1:89990396-90063420	0.142126	0.999791
XLOC_008312	XLOC_008312	NPRL3	chr16:127017-188697	0.14228	0.999791
XLOC_018559	XLOC_018559	C6orf211	chr6:151773421-151791232	0.142284	0.999791
XLOC_018433	XLOC_018433	SOBP	chr6:107811316-107982513	0.142395	0.999791
XLOC_008642	XLOC_008642	COG8,PDF	chr16:69362523-69377013	0.142421	0.999791
XLOC_014564	XLOC_014564	APOBEC3D	chr22:394171117-39429256	0.142446	1
XLOC_004116	XLOC_004116	FANCF	chr11:22644078-22647387	0.142647	0.999791
XLOC_018958	XLOC_018958	MB21D1	chr6:74134855-74162043	0.142692	0.999791
XLOC_005071	XLOC_005071	KIAA1033	chr12:105501491-105562906	0.142778	0.999791
XLOC_014327	XLOC_014327	PSMG1	chr21:40547371-40555440	0.142897	0.999791
XLOC_013419	XLOC_013419	PDE6D	chr2:232597146-232645974	0.142918	0.999791
XLOC_020693	XLOC_020693	BCAP29	chr7:107220421-107263762	0.142921	0.999791
XLOC_022769	XLOC_022769	PLAA	chr9:26903367-27062931	0.143062	0.999791
XLOC_017678	XLOC_017678	TRIM23	chr5:64885506-64920187	0.143077	0.999791
XLOC_006155	XLOC_006155	DIS3	chr13:73302041-73590591	0.143325	0.999791
XLOC_007800	XLOC_007800	CHSY1	chr15:101715927-101792137	0.143382	0.999791
XLOC_001361	XLOC_001361	STPG1	chr1:24645811-24741587	0.143431	0.999791
XLOC_017868	XLOC_017868	PCDH12	chr5:141324529-141338627	0.143426	1
XLOC_008286	XLOC_008286	CTU2	chr16:88772890-88851372	0.143465	0.999791
XLOC_003591	XLOC_003591	ESRRA	chr11:64073043-64085033	0.143469	0.999791

XLOC_008873	XLOC_008873	TTC19	chr17:15879874-15932723	0.143513	0.999791
XLOC_002394	XLOC_002394	RAB18	chr10:27793102-27831166	0.143571	0.999791
XLOC_015002	XLOC_015002	CNOT10	chr3:32726636-32815367	0.143616	0.999791
XLOC_007515	XLOC_007515	RMDN3	chr15:41028085-41047458	0.143654	0.999791
XLOC_001199	XLOC_001199	DVL1	chr1:1270657-1284492	0.143693	0.999791
XLOC_011288	XLOC_011288	BTBD2	chr19:1985446-2015702	0.143736	0.999791
XLOC_008724	XLOC_008724	PIEZO1	chr16:88722890-88851372	0.143777	0.999791
XLOC_009393	XLOC_009393	CLUH	chr17:2592679-2614927	0.143793	0.999791
XLOC_010800	XLOC_010800	C19orf55	chr19:36249043-36260077	0.143823	0.999791
XLOC_001635	XLOC_001635	ODF2L	chr1:86812506-86862025	0.143856	0.999791
XLOC_007573	XLOC_007573	GABPB1	chr15:50569388-50650503	0.143921	0.999791
XLOC_020498	XLOC_020498	SUMF2	chr7:56131916-56160689	0.143979	0.999791
XLOC_021260	XLOC_021260	LAMB1	chr7:107564245-107643804	0.144014	0.999791
XLOC_019009	XLOC_019009	USP45	chr6:99880183-99963252	0.144153	0.999791
XLOC_000042	XLOC_000042	TPRG1L	chr1:3541555-3546694	0.144219	0.999791
XLOC_005419	XLOC_005419	CCNT1	chr12:49082240-491110781	0.144249	0.999791
XLOC_009228	XLOC_009228	DDX42	chr17:61851566-61896677	0.144343	0.999791
XLOC_002054	XLOC_002054	ABL2	chr1:179068461-179198819	0.144533	0.999791
XLOC_022764	XLOC_022764	CDKN2B	chr9:21994789-22121093	0.144536	0.999791
XLOC_020374	XLOC_020374	PHF14	chr7:11013498-11209250	0.1447	0.999791
XLOC_022167	XLOC_022167	TATDN1	chr8:125487007-125551329	0.144775	0.999791
XLOC_001230	XLOC_001230	LRRC47	chr1:3696783-3713068	0.144776	0.999791
XLOC_015736	XLOC_015736	NPRL2	chr3:50384918-50391496	0.144777	0.999791
XLOC_003825	XLOC_003825	ANKK1	chr11:113258512-113271140	0.144788	1
XLOC_020679	XLOC_020679	FAM185A	chr7:102389398-10244672	0.144809	0.999791
XLOC_017438	XLOC_017438	LARP1	chr5:154092461-154197163	0.144866	0.999791
XLOC_004295	XLOC_004295	C11orf95	chr11:63527363-63536113	0.144963	0.999791
XLOC_009929	XLOC_009929	PSMD12	chr17:65336618-65362721	0.144963	0.999791
XLOC_012631	XLOC_012631	XRCC5	chr2:216974019-217071016	0.145036	0.999791
XLOC_007115	XLOC_007115	LOC100288637	chr15:30938317-31065209	0.145045	0.999791
XLOC_007295	XLOC_007295	LOXL1	chr15:74209808-74244478	0.145213	0.999791
XLOC_022329	XLOC_022329	C9orf131	chr9:35041101-35045988	0.145307	1
XLOC_001145	XLOC_001145	LOC149134	chr1:246952918-246954788	0.145351	0.999791
XLOC_013317	XLOC_013317	WDR12	chr2:203745322-203776949	0.145368	0.999791
XLOC_013937	XLOC_013937	GSS	chr20:33516235-33543601	0.145548	0.999791
XLOC_015276	XLOC_015276	POGLUT1	chr3:119187784-119213554	0.145551	0.999791
XLOC_008885	XLOC_008885	NT5M	chr17:17206679-17250977	0.145633	0.999791
XLOC_015162	XLOC_015162	PXK	chr3:58318616-58410878	0.145746	0.999791
XLOC_016637	XLOC_016637	MXD4	chr4:2249159-2263739	0.14582	0.999791
XLOC_011672	XLOC_011672	ZNF780B	chr19:40534166-40562115	0.145865	0.999791
XLOC_021459	XLOC_021459	MSRA	chr8:9911829-10286401	0.145878	0.999791
XLOC_002166	XLOC_002166	C1orf74	chr1:209929393-209957890	0.145913	0.999791
XLOC_007131	XLOC_007131	C15orf41	chr15:36871811-37110707	0.145942	0.999791
XLOC_001852	XLOC_001852	S100A6	chr1:153507075-153508717	0.146011	0.999791
XLOC_004558	XLOC_004558	MPZL3	chr11:118100335-118123011	0.146018	1
XLOC_005796	XLOC_005796	ZNF605	chr12:133498018-133532892	0.146043	0.999791
XLOC_003776	XLOC_003776	SRSF8	chr1:94800055-94804388	0.146046	0.999791
XLOC_007193	XLOC_007193	GATM-AS1	chr15:45653321-45672321	0.146063	1
XLOC_004527	XLOC_004527	PIH1D2	chr11:111895537-111944895	0.14607	0.999791
XLOC_021034	XLOC_021034	POLM	chr7:44111846-44122129	0.146119	0.999791
XLOC_006143	XLOC_006143	VPS36	chr13:52986736-53024763	0.146155	0.999791
XLOC_012149	XLOC_012149	LOC728730	chr2:39664556-39828484	0.146165	0.999791
XLOC_021811	XLOC_021811	C8orf33	chr8:146277823-146281416	0.146165	0.999791
XLOC_001443	XLOC_001443	C1orf216	chr1:36179476-36184790	0.146212	0.999791
XLOC_020760	XLOC_020760	MKLN1	chr7:130794854-131181398	0.14625	0.999791
XLOC_009092	XLOC_009092	TMEM106A	chr17:41363893-41371589	0.14632	0.999791
XLOC_012115	XLOC_012115	PPP1CB	chr2:28974613-29025806	0.146371	0.999791
XLOC_014532	XLOC_014532	RASD2	chr22:35937351-35950045	0.146516	0.999791
XLOC_012993	XLOC_012993	LBX2	chr2:74724643-74734821	0.146524	0.999791
XLOC_005055	XLOC_005055	UTP20	chr12:101673904-101780397	0.146605	0.999791
XLOC_004473	XLOC_004473	GPR83	chr1:94110476-94134585	0.146614	1
XLOC_013275	XLOC_013275	COL5A2	chr2:189896640-190044605	0.146699	1
XLOC_003621	XLOC_003621	PCNXL3	chr11:65383782-65404910	0.146714	0.999791
XLOC_013178	XLOC_013178	RBM43	chr2:152104727-152118389	0.146746	0.999791
XLOC_005167	XLOC_005167	SETD8	chr12:123868703-123893900	0.14684	0.999791
XLOC_017572	XLOC_017572	FASTKD3	chr5:7859271-7869150	0.146918	0.999791
XLOC_021858	XLOC_021858	RP1L1	chr8:10463859-10512617	0.147032	1
XLOC_012326	XLOC_012326	UNC50	chr2:99225041-99234977	0.14705	0.999791
XLOC_023158	XLOC_023158	NACC2	chr9:138898382-138987131	0.147114	0.999791
XLOC_013943	XLOC_013943	UQCC	chr20:33890368-33999945	0.147162	0.999791
XLOC_009390	XLOC_009390	MNT	chr17:2287353-2304258	0.147176	0.999791
XLOC_018175	XLOC_018175	ATAT1	chr6:30594612-30614598	0.147205	0.999791
XLOC_000837	XLOC_000837	ATF6	chr1:161736033-161933860	0.147328	0.999791
XLOC_012878	XLOC_012878	DHX57	chr2:39024875-39103021	0.147389	0.999791
XLOC_007552	XLOC_007552	MFAP1	chr15:44096732-44116951	0.147399	0.999791
XLOC_009339	XLOC_009339	CCDC137	chr17:79633760-79640936	0.147448	0.999791
XLOC_008212	XLOC_008212	DDX19A	chr16:70380823-70407281	0.147503	0.999791
XLOC_003418	XLOC_003418	ACCS	chr11:44087728-44105569	0.147661	0.999791
XLOC_000308	XLOC_000308	ZFP69B	chr1:40916336-40929390	0.147769	0.999791

XLOC_015808	XLOC_015808	EOGT	chr3:69024367-69062774	0.147804	0.999791
XLOC_005616	XLOC_005616	DUSP6	chr12:89741836-89746296	0.147806	0.999791
XLOC_013201	XLOC_013201	AHCTF1P1	chr2:162355577-162364413	0.147898	1
XLOC_014610	XLOC_014610	PNPLA3	chr22:44319618-44343448	0.147928	0.999791
XLOC_021803	XLOC_021803	PPP1R16A	chr8:145722108-145727504	0.147934	0.999791
XLOC_011736	XLOC_011736	LOC100505715	chr19:44395955-44405955	0.148031	1
XLOC_001318	XLOC_001318	AKR7L	chr1:19592475-19600568	0.148068	0.999791
XLOC_010461	XLOC_010461	ADAT3,SCAMP4	chr19:1905370-1926012	0.148078	0.999791
XLOC_001248	XLOC_001248	ERRF1	chr1:8071778-8086393	0.148114	0.999791
XLOC_005595	XLOC_005595	BBS10	chr12:76738265-76742222	0.14816	0.999791
XLOC_020494	XLOC_020494	MRPS17	chr7:56019610-56023033	0.148266	0.999791
XLOC_000650	XLOC_000650	CHD1L	chr1:146714290-146767447	0.148272	0.999791
XLOC_004679	XLOC_004679	LAG3	chr12:6881669-6887621	0.148274	1
XLOC_006900	XLOC_006900	NEK9	chr14:75548817-75593778	0.148367	0.999791
XLOC_019025	XLOC_019025	SEC63	chr6:108188959-108279482	0.148373	0.999791
XLOC_021384	XLOC_021384	ZNF786	chr7:148766732-148787869	0.148413	0.999791
XLOC_018299	XLOC_018299	GLTSCR1L	chr6:42788793-42836296	0.148474	0.999791
XLOC_009898	XLOC_009898	CYB561	chr17:61509664-61523722	0.148475	0.999791
XLOC_023143	XLOC_023143	BRD3	chr9:136890560-136933141	0.148489	0.999791
XLOC_018988	XLOC_018988	AKIRIN2	chr6:88384577-88411985	0.148493	0.999791
XLOC_015122	XLOC_015122	DOCK3	chr3:50712671-51421629	0.148533	1
XLOC_006334	XLOC_006334	CTAGE5	chr14:39734475-39820397	0.148557	0.999791
XLOC_014676	XLOC_014676	HIRA	chr22:19318223-19419219	0.148595	0.999791
XLOC_007522	XLOC_007522	NDUFAF1	chr15:41679546-41694658	0.148698	0.999791
XLOC_015023	XLOC_015023	XYLB	chr3:38388250-38456467	0.148808	0.999791
XLOC_008101	XLOC_008101	CYLD	chr16:50775960-50835846	0.148939	0.999791
XLOC_000338	XLOC_000338	ST3GAL3	chr1:44173203-44396837	0.148941	0.999791
XLOC_003333	XLOC_003333	LOC729013	chr11:10879763-10900823	0.148956	0.999791
XLOC_021139	XLOC_021139	HGF	chr7:81331443-81399452	0.149011	0.999791
XLOC_009804	XLOC_009804	MRPL10	chr17:45900637-45908907	0.149015	0.999791
XLOC_006632	XLOC_006632	WDR20	chr14:102606188-102690010	0.149044	0.999791
XLOC_011219	XLOC_011219	ZNF543	chr19:57831864-57842144	0.149125	0.999791
XLOC_002985	XLOC_002985	ASCC1	chr10:73855789-73995618	0.149189	0.999791
XLOC_013400	XLOC_013400	TM4SF20	chr2:228226873-228244022	0.149433	1
XLOC_003076	XLOC_003076	MORN4	chr10:99374309-99393913	0.14944	0.999791
XLOC_008607	XLOC_008607	TK2	chr16:66541905-66584315	0.149515	0.999791
XLOC_016539	XLOC_016539	FHDC1	chr4:153864134-153900848	0.149653	1
XLOC_000914	XLOC_000914	LHX4	chr1:180199432-180244188	0.149757	0.999791
XLOC_016469	XLOC_016469	C4orf32	chr4:113066552-113110237	0.149846	0.999791
XLOC_003130	XLOC_003130	ITPRIP	chr10:106069453-106098251	0.14988	0.999791
XLOC_008821	XLOC_008821	POLR2A	chr17:7387697-7417935	0.149927	0.999791
XLOC_020344	XLOC_020344	LFNG	chr7:2552162-2568810	0.149996	0.999791
XLOC_017522	XLOC_017522	HNRNPAB	chr5:177631507-177659803	0.150021	0.999791
XLOC_012866	XLOC_012866	FEZ2	chr2:36779403-36825332	0.150058	0.999791
XLOC_013457	XLOC_013457	ANKMY1	chr2:241418838-241497405	0.150203	0.999791
XLOC_018026	XLOC_018026	DKFZP686H15217	chr6:2988200-2991405	0.150222	0.999791
XLOC_009808	XLOC_009808	COPZ2	chr17:46103532-46115152	0.150255	0.999791
XLOC_020523	XLOC_020523	RABGEF1	chr7:66205642-66309813	0.150376	0.999791
XLOC_001743	XLOC_001743	GDAP2	chr1:118406106-118472302	0.150388	0.999791
XLOC_003734	XLOC_003734	USP35	chr11:77898857-77925757	0.15039	0.999791
XLOC_004414	XLOC_004414	KLHL35	chr11:75133437-75141674	0.1504	0.999791
XLOC_005152	XLOC_005152	PSMD9	chr12:122326636-122355771	0.150407	0.999791
XLOC_010611	XLOC_010611	WDR83	chr19:12777617-12792701	0.150433	0.999791
XLOC_021901	XLOC_021901	HR	chr8:21971931-21988565	0.150511	0.999791
XLOC_004963	XLOC_004963	XPOT	chr12:64798152-64842463	0.150553	0.999791
XLOC_014308	XLOC_014308	CRYZL1	chr21:34961647-35014160	0.150576	0.999791
XLOC_007920	XLOC_007920	HMOX2	chr16:4511694-4560348	0.150604	0.999791
XLOC_016693	XLOC_016693	GPR125	chr4:22388996-22517677	0.150709	0.999791
XLOC_003978	XLOC_003978	PHLDA2	chr11:2949502-2950650	0.150812	0.999791
XLOC_011519	XLOC_011519	ABHD8	chr19:17402939-17414282	0.150813	0.999791
XLOC_020349	XLOC_020349	FOXK1	chr7:4721929-4811074	0.150897	0.999791
XLOC_014831	XLOC_014831	CBX6	chr22:39260247-39268258	0.150934	0.999791
XLOC_013179	XLOC_013179	NMI	chr2:152126981-152146430	0.150948	0.999791
XLOC_010129	XLOC_010129	SEH1L	chr18:12947982-12987536	0.150972	0.999791
XLOC_005179	XLOC_005179	AACS	chr12:125549924-125627871	0.151096	0.999791
XLOC_016254	XLOC_016254	MED28	chr4:17616272-17626160	0.151119	0.999791
XLOC_002599	XLOC_002599	CYP26A1	chr10:94833231-94837641	0.151234	1
XLOC_012792	XLOC_012792	E2F6	chr2:11584500-11606297	0.151298	0.999791
XLOC_008530	XLOC_008530	FBXL19-AS1	chr16:30930639-30960104	0.151335	1
XLOC_021590	XLOC_021590	MRPL15	chr8:55047780-55061074	0.151389	0.999791
XLOC_022592	XLOC_022592	SET	chr9:131445933-131458675	0.151391	0.999791
XLOC_011893	XLOC_011893	VSIG10L	chr19:51834794-51845378	0.151399	0.999791
XLOC_015096	XLOC_015096	ATRIP,TREX1	chr3:48488113-48509044	0.151443	0.999791
XLOC_007587	XLOC_007587	MYO5A	chr15:52599479-52821247	0.151445	0.999791
XLOC_007497	XLOC_007497	ZNF770	chr15:35270541-35280497	0.151559	0.999791
XLOC_017545	XLOC_017545	SLC9A3	chr5:473333-524549	0.15158	0.999791
XLOC_008907	XLOC_008907	EPN2	chr17:19140689-19240028	0.151581	0.999791
XLOC_020651	XLOC_020651	AGFG2	chr7:100136833-100165843	0.151751	0.999791
XLOC_020554	XLOC_020554	PMS2P5	chr7:74306893-74336166	0.151774	0.999791

XLOC_010931	XLOC_010931	APOC1	chr19:45417920-45422606	0.15181	0.999791
XLOC_006147	XLOC_006147	DIAPH3	chr13:60239720-60738119	0.151849	0.999791
XLOC_004889	XLOC_004889	HNRNPA1	chr12:54674487-54679030	0.151864	0.999791
XLOC_013530	XLOC_013530	BTBD3	chr20:11871476-11907243	0.15189	0.999791
XLOC_017119	XLOC_017119	LOC153684	chr5:43042235-43045370	0.151968	1
XLOC_017940	XLOC_017940	PANK3	chr5:167982627-168006614	0.15197	0.999791
XLOC_010684	XLOC_010684	FCHO1	chr19:17858526-17899377	0.152054	0.999791
XLOC_005091	XLOC_005091	FAM222A	chr12:110152186-110211292	0.152107	0.999791
XLOC_001265	XLOC_001265	MTOR	chr1:11166587-11322608	0.152116	0.999791
XLOC_023885	XLOC_023885	FAM120C	chrX:54094756-54209714	0.152116	0.999791
XLOC_011912	XLOC_011912	ZNF614	chr19:52516576-52531680	0.152143	1
XLOC_004261	XLOC_004261	TUT1	chr1:162342516-62359109	0.152227	0.999791
XLOC_016036	XLOC_016036	IFT80	chr3:159974773-160117320	0.152248	0.999791
XLOC_017751	XLOC_017751	RIOK2	chr5:96496570-96519005	0.152276	0.999791
XLOC_002769	XLOC_002769	INPP5A	chr10:134351352-134596984	0.15232	0.999791
XLOC_017976	XLOC_017976	PRR7-AS1	chr5:176853686-176883287	0.15233	0.999791
XLOC_002825	XLOC_002825	DCLRE1C	chr10:14948870-14996094	0.152331	0.999791
XLOC_007612	XLOC_007612	NARG2	chr15:60711807-60771359	0.152394	0.999791
XLOC_004248	XLOC_004248	CYBASC3	chr1:161066918-61136975	0.15266	0.999791
XLOC_006168	XLOC_006168	RBM26	chr13:79894099-79979923	0.152668	0.999791
XLOC_008150	XLOC_008150	USB1	chr16:58035276-58055527	0.152707	0.999791
XLOC_014667	XLOC_014667	MICAL3	chr22:18270415-18507325	0.152781	0.999791
XLOC_011226	XLOC_011226	ZNF773	chr19:58011308-58019510	0.152807	0.999791
XLOC_009349	XLOC_009349	RAC3	chr17:79989531-79992080	0.15295	0.999791
XLOC_016464	XLOC_016464	GAR1	chr4:110736665-110745893	0.153164	0.999791
XLOC_022585	XLOC_022585	SLC27A4	chr9:131102838-131123749	0.153173	0.999791
XLOC_001777	XLOC_001777	ACP6	chr1:147119167-147142634	0.153288	0.999791
XLOC_012093	XLOC_012093	EMILIN1	chr2:27301434-27309265	0.153298	1
XLOC_010897	XLOC_010897	MEGF8	chr19:42829760-42882921	0.153355	0.999791
XLOC_007475	XLOC_007475	MTMR10	chr15:31196054-31283807	0.15343	0.999791
XLOC_004429	XLOC_004429	ALG8	chr1:77726760-77850699	0.15345	0.999791
XLOC_008199	XLOC_008199	CIRH1A	chr16:69166498-69202937	0.153506	0.999791
XLOC_012916	XLOC_012916	MTIF2	chr2:55463755-55496384	0.153534	0.999791
XLOC_021063	XLOC_021063	COBL	chr7:51083908-51384515	0.153585	0.999791
XLOC_003169	XLOC_003169	NSMCE4A	chr10:123716602-123734743	0.153671	0.999791
XLOC_002147	XLOC_002147	SLC45A3	chr1:205626980-205649630	0.153694	0.999791
XLOC_006004	XLOC_006004	TFDP1	chr13:114239002-114295788	0.153804	0.999791
XLOC_018810	XLOC_018810	WDR46	chr6:33246879-33257304	0.153847	0.999791
XLOC_002754	XLOC_002754	BCCIP	chr10:127512103-127569884	0.153861	0.999791
XLOC_020899	XLOC_020899	INTS1	chr7:1509912-1544018	0.153926	0.999791
XLOC_005668	XLOC_005668	APPL2	chr12:105567074-105630008	0.154007	0.999791
XLOC_002936	XLOC_002936	TIMM23	chr10:51592080-51623386	0.154012	0.999791
XLOC_015598	XLOC_015598	DPH3	chr3:16298567-16306496	0.154059	0.999791
XLOC_017433	XLOC_017433	G3BP1	chr5:151151475-151184915	0.154111	0.999791
XLOC_004376	XLOC_004376	ORAOV1	chr1:169480331-69490165	0.154258	0.999791
XLOC_023339	XLOC_023339	MAOA	chrX:43514154-43606071	0.154264	1
XLOC_003682	XLOC_003682	CTTN	chr1:70244611-70282690	0.154278	0.999791
XLOC_001234	XLOC_001234	NPHP4	chr1:5922869-6161253	0.154285	0.999791
XLOC_012155	XLOC_012155	MTA3	chr2:42795670-42936353	0.154346	0.999791
XLOC_020929	XLOC_020929	CCZ1B	chr7:6838565-6865926	0.154346	0.999791
XLOC_022907	XLOC_022907	GOLM1	chr9:88641057-88715116	0.154533	0.999791
XLOC_013652	XLOC_013652	ARHGAP40	chr20:37230576-37279295	0.154754	0.999791
XLOC_005978	XLOC_005978	BIVM,BIVM-ERCC5,ERCC5	chr13:103436630-103528351	0.154794	0.999791
XLOC_009756	XLOC_009756	AARSD1,PTGES3L,PTGES3L-AA	chr17:41102542-41132545	0.154834	0.999791
XLOC_003839	XLOC_003839	BACE1-AS	chr11:117103403-117186972	0.154889	0.999791
XLOC_014974	XLOC_014974	OXNAD1	chr3:16306666-16347594	0.154902	0.999791
XLOC_006843	XLOC_006843	TRMT5	chr14:61438166-61447782	0.154934	0.999791
XLOC_012894	XLOC_012894	LRPPRC	chr2:44113362-44223144	0.154971	0.999791
XLOC_023420	XLOC_023420	RIBC1	chrX:53449804-53458063	0.155044	0.999791
XLOC_004859	XLOC_004859	KRT7	chr12:52626953-52642709	0.155055	0.999791
XLOC_016647	XLOC_016647	TMEM128	chr4:4237268-4249934	0.155071	0.999791
XLOC_007574	XLOC_007574	FLJ10038	chr15:50569388-50650503	0.155091	0.999791
XLOC_002212	XLOC_002212	PYCR2	chr1:226107576-226112040	0.155119	0.999791
XLOC_015644	XLOC_015644	ULK4	chr3:41288089-42003660	0.155149	1
XLOC_023780	XLOC_023780	MAP3K15	chrX:19362010-19533379	0.155184	0.999791
XLOC_005095	XLOC_005095	IFT81	chr12:110562139-110656600	0.155203	0.999791
XLOC_002760	XLOC_002760	MGMT	chr10:131265453-131565783	0.155211	0.999791
XLOC_020701	XLOC_020701	C7orf53	chr7:112120907-112130943	0.155254	0.999791
XLOC_013797	XLOC_013797	OPRL1	chr20:62711470-62731996	0.155493	0.999791
XLOC_001674	XLOC_001674	DBT	chr1:100652477-100715409	0.155496	0.999791
XLOC_015985	XLOC_015985	ATR	chr3:142168076-142297668	0.155519	0.999791
XLOC_004276	XLOC_004276	SNHG1	chr1:162619459-62623360	0.155614	0.999791
XLOC_006357	XLOC_006357	PSMC6	chr14:53173895-53194716	0.155633	0.999791
XLOC_000113	XLOC_000113	KAZN	chr1:14925212-15478960	0.155651	0.999791
XLOC_012117	XLOC_012117	WDR43	chr2:29117532-29171080	0.155669	0.999791
XLOC_022312	XLOC_022312	DNAJA1	chr9:33025208-33039062	0.155713	0.999791
XLOC_000420	XLOC_000420	FGGY	chr1:59762624-60228402	0.155877	0.999791
XLOC_011048	XLOC_011048	FLJ26850	chr19:50553936-50570052	0.155877	0.999791
XLOC_001481	XLOC_001481	MYCL1	chr1:40361095-40367687	0.155921	0.999791

XLOC_002184	XLOC_002184	GPATCH2	chr1:217603833-217804409	0.156049	0.999791
XLOC_001390	XLOC_001390	RPA2	chr1:28218048-28241236	0.156095	0.999791
XLOC_011903	XLOC_011903	FLJ30403	chr19:52095035-52097633	0.156214	0.999791
XLOC_021655	XLOC_021655	CA13	chr8:86157715-86196302	0.156244	0.999791
XLOC_005765	XLOC_005765	VPS37B	chr12:123349874-123380712	0.156374	0.999791
XLOC_016817	XLOC_016817	HNRPLD	chr4:83343716-83351378	0.156416	0.999791
XLOC_008048	XLOC_008048	SLX1B,SULT1A4	chr16:30204255-30218248	0.156417	0.999791
XLOC_013712	XLOC_013712	SLC9A8	chr20:48429249-48508779	0.156584	0.999791
XLOC_012389	XLOC_012389	PSD4	chr2:113931559-113960677	0.156687	0.999791
XLOC_015623	XLOC_015623	DYNC1L1	chr3:32567462-32612366	0.156702	0.999791
XLOC_016713	XLOC_016713	UGDH	chr4:39500374-39529218	0.156718	0.999791
XLOC_022710	XLOC_022710	KIAA0020	chr9:2804154-2844130	0.156846	0.999791
XLOC_001656	XLOC_001656	TMED5	chr1:93615298-93646246	0.156864	0.999791
XLOC_001720	XLOC_001720	SLC16A1	chr1:113454469-113498975	0.156898	0.999791
XLOC_021072	XLOC_021072	PHKG1	chr7:56131916-56160689	0.156951	0.999791
XLOC_010753	XLOC_010753	NUDT19	chr19:33182866-33204702	0.157078	0.999791
XLOC_016026	XLOC_016026	SSR3	chr3:156257928-156272973	0.157112	0.999791
XLOC_008334	XLOC_008334	C16orf91	chr16:1469744-1470801	0.157298	0.999791
XLOC_012217	XLOC_012217	APLF	chr2:68694690-68807294	0.157321	1
XLOC_007828	XLOC_007828	PIGQ	chr16:619967-634136	0.157349	0.999791
XLOC_020837	XLOC_020837	ZNF398	chr7:148823507-148880118	0.157498	0.999791
XLOC_015459	XLOC_015459	NDUFB5	chr3:179322574-179342288	0.157678	0.999791
XLOC_001394	XLOC_001394	SNHG12	chr1:28879528-28908366	0.157729	0.999791
XLOC_003791	XLOC_003791	DYNC2H1	chr11:102980159-103350591	0.157762	0.999791
XLOC_007634	XLOC_007634	PDCD7	chr15:65409716-65426174	0.157811	0.999791
XLOC_017194	XLOC_017194	POLK	chr5:74666927-74895646	0.157833	0.999791
XLOC_021733	XLOC_021733	WDR67	chr8:124084919-124164392	0.157838	0.999791
XLOC_022418	XLOC_022418	CTSL1	chr9:90340973-90346384	0.157909	0.999791
XLOC_009200	XLOC_009200	SMG8	chr17:57287370-57292611	0.157955	0.999791
XLOC_021354	XLOC_021354	KIAA1147	chr7:141356527-141401953	0.157969	0.999791
XLOC_021708	XLOC_021708	DCAF13	chr8:104410865-104455680	0.158028	0.999791
XLOC_015643	XLOC_015643	ENTPD3-AS1	chr3:40428672-40494799	0.158052	1
XLOC_001330	XLOC_001330	CAMK2N1	chr1:20808883-20812728	0.158132	0.999791
XLOC_016595	XLOC_016595	CCDC111	chr4:185570766-185655286	0.158316	0.999791
XLOC_017072	XLOC_017072	MTRR	chr5:7869216-7901235	0.158369	0.999791
XLOC_017000	XLOC_017000	AADAT	chr4:170981372-171011372	0.158404	0.999791
XLOC_008558	XLOC_008558	DNAJA2	chr16:46989273-47007625	0.15841	0.999791
XLOC_007575	XLOC_007575	USP50	chr15:50716578-50838902	0.158447	0.999791
XLOC_005628	XLOC_005628	UBE2N	chr12:93802087-93836026	0.158496	0.999791
XLOC_015112	XLOC_015112	SEMA3F	chr3:50192847-50226508	0.158605	0.999791
XLOC_020423	XLOC_020423	C7orf41	chr7:30174551-30202381	0.158615	0.999791
XLOC_022933	XLOC_022933	NOL8	chr9:95059639-95432547	0.158656	0.999791
XLOC_002370	XLOC_002370	CACNB2	chr10:18429605-18830688	0.158684	1
XLOC_008377	XLOC_008377	CCDC64B	chr16:3077867-3089133	0.158849	1
XLOC_009861	XLOC_009861	MRPS23	chr17:55916286-55927433	0.158896	0.999791
XLOC_003804	XLOC_003804	ZC3H12C	chr11:109964086-110042566	0.158974	0.999791
XLOC_003787	XLOC_003787	YAP1	chr11:101981191-102104154	0.159051	0.999791
XLOC_020599	XLOC_020599	CDK14	chr7:90338711-90839904	0.15916	1
XLOC_008745	XLOC_008745	RNMTL1	chr17:662548-695741	0.159176	0.999791
XLOC_003648	XLOC_003648	RBM14,RBM14-RBM4,RBM4	chr1:166384052-66445275	0.15918	0.999791
XLOC_004874	XLOC_004874	PCBP2	chr12:53845885-53893444	0.159193	0.999791
XLOC_005143	XLOC_005143	UNC119B	chr12:121148237-121161443	0.159209	0.999791
XLOC_008766	XLOC_008766	CTNS	chr17:3539761-3599698	0.159313	0.999791
XLOC_012753	XLOC_012753	FARP2	chr2:242295663-242448987	0.159338	0.999791
XLOC_004735	XLOC_004735	CREBL2	chr12:12764830-12798041	0.159346	0.999791
XLOC_007582	XLOC_007582	LEO1	chr15:52230221-52263958	0.159392	0.999791
XLOC_017509	XLOC_017509	FGFR4	chr5:176513920-176525126	0.159462	0.999791
XLOC_009380	XLOC_009380	TLCD2	chr17:1606083-1613662	0.159478	0.999791
XLOC_001800	XLOC_001800	MCL1	chr1:150547026-150552214	0.159501	0.999791
XLOC_012535	XLOC_012535	AGPS	chr2:178257470-178408564	0.159506	0.999791
XLOC_022249	XLOC_022249	ARHGAP39	chr8:145754562-145838888	0.159599	0.999791
XLOC_003361	XLOC_003361	TMEM86A	chr11:18720350-18747777	0.159651	0.999791
XLOC_008641	XLOC_008641	CHTF8	chr16:69139466-69166493	0.159764	0.999791
XLOC_003371	XLOC_003371	GAS2	chr11:22688159-22834547	0.159808	1
XLOC_000462	XLOC_000462	RABGGTB	chr1:76251878-76260775	0.159833	0.999791
XLOC_009071	XLOC_009071	HSD17B1	chr17:40703983-40707232	0.159908	0.999791
XLOC_003386	XLOC_003386	EIF3M	chr11:32605312-32816187	0.159953	0.999791
XLOC_011910	XLOC_011910	ZNF350	chr19:52467592-52490079	0.16009	0.999791
XLOC_012514	XLOC_012514	DLX1	chr2:172950207-172954401	0.160121	0.999791
XLOC_002467	XLOC_002467	TFAM	chr10:60144902-60158990	0.160148	0.999791
XLOC_024039	XLOC_024039	UPF3B	chrX:118967988-118986991	0.160227	0.999791
XLOC_009100	XLOC_009100	G6PC3	chr17:42148097-42153712	0.160307	0.999791
XLOC_004134	XLOC_004134	CSTF3	chr11:33106129-33183037	0.160378	0.999791
XLOC_006978	XLOC_006978	HSP90AA1	chr14:102547074-102606086	0.160481	0.999791
XLOC_018392	XLOC_018392	DOPEY1	chr6:83777384-83906256	0.160572	1
XLOC_001544	XLOC_001544	NRD1	chr1:52082545-52344609	0.160606	0.999791
XLOC_000315	XLOC_000315	KCNQ4	chr1:41249683-41306124	0.16062	0.999791
XLOC_012087	XLOC_012087	SLC35F6	chr2:26987141-27004099	0.160693	0.999791
XLOC_006289	XLOC_006289	DHRS4L2	chr14:24439082-24475617	0.160714	0.999791

XLOC_015352	XLOC_015352	CEP63	chr3:134196545-134293855	0.160723	0.999791
XLOC_010614	XLOC_010614	JUNB	chr19:12902309-12904125	0.160909	0.999791
XLOC_010771	XLOC_010771	ZNF181	chr19:35225479-35233774	0.160939	0.999791
XLOC_016745	XLOC_016745	CHIC2	chr4:54875957-54930815	0.160948	0.999791
XLOC_010411	XLOC_010411	LOC400657	chr18:72259009-72265071	0.160953	0.999791
XLOC_004066	XLOC_004066	TMEM41B	chr11:9302200-9336315	0.160988	0.999791
XLOC_017677	XLOC_017677	CENPK	chr5:64813592-64858995	0.161022	0.999791
XLOC_010257	XLOC_010257	ATP9B	chr18:76829396-77138282	0.161036	0.999791
XLOC_022222	XLOC_022222	TSTA3	chr8:144694787-144699732	0.161037	0.999791
XLOC_013185	XLOC_013185	PRPF40A	chr2:153508106-153573975	0.161086	0.999791
XLOC_023330	XLOC_023330	TSPAN7	chrX:38420730-38548172	0.161204	0.999791
XLOC_014936	XLOC_014936	JAGN1	chr3:9932270-9936031	0.161342	0.999791
XLOC_021245	XLOC_021245	ORC5	chr7:103766787-103848495	0.161373	0.999791
XLOC_004466	XLOC_004466	SNORA8	chr11:93465526-93465665	0.161494	0.999791
XLOC_018403	XLOC_018403	C6orf164	chr6:88106841-88109459	0.161736	1
XLOC_002800	XLOC_002800	GDI2	chr10:5807185-5855512	0.161738	0.999791
XLOC_012007	XLOC_012007	ZNF497	chr19:58858171-58874214	0.161739	0.999791
XLOC_004103	XLOC_004103	UEVLD	chr11:18552949-18610293	0.161842	0.999791
XLOC_000548	XLOC_000548	PRMT6	chr1:107599266-107601916	0.16187	0.999791
XLOC_022774	XLOC_022774	C9orf72	chr9:27546542-27573864	0.161977	0.999791
XLOC_003055	XLOC_003055	FRA10AC1	chr10:95427639-95462329	0.161989	0.999791
XLOC_006016	XLOC_006016	PSPC1	chr13:20248891-20357159	0.16213	0.999791
XLOC_003928	XLOC_003928	ACAD8	chr11:134123433-134135746	0.16218	0.999791
XLOC_018340	XLOC_018340	CENPQ	chr6:49431095-49460820	0.162187	0.999791
XLOC_022801	XLOC_022801	RPP25L	chr9:34610481-34612110	0.162211	0.999791
XLOC_008020	XLOC_008020	ATXN2L	chr16:28834368-28848558	0.162236	0.999791
XLOC_013068	XLOC_013068	TXNDC9	chr2:99935486-99952860	0.162356	0.999791
XLOC_012025	XLOC_012025	ACP1	chr2:264868-278282	0.162562	0.999791
XLOC_023407	XLOC_023407	GSPT2	chrX:51486480-51489326	0.162588	0.999791
XLOC_018843	XLOC_018843	PPIL1	chr6:36822605-36842800	0.162644	0.999791
XLOC_023137	XLOC_023137	REXO4	chr9:136243283-136324508	0.162689	0.999791
XLOC_008323	XLOC_008323	CCDC78	chr16:771141-776473	0.162861	0.999791
XLOC_009439	XLOC_009439	MED31	chr17:6481644-6554954	0.162933	0.999791
XLOC_013056	XLOC_013056	FAHD2B	chr2:97749322-97760582	0.162977	0.999791
XLOC_012815	XLOC_012815	C2orf44	chr2:24252205-24270296	0.162985	0.999791
XLOC_016970	XLOC_016970	PLRG1	chr4:155456148-155471585	0.163132	0.999791
XLOC_001765	XLOC_001765	POLR3GL	chr1:145456235-145470387	0.163151	0.999791
XLOC_011466	XLOC_011466	FARSA	chr19:13033283-13044558	0.163255	0.999791
XLOC_013540	XLOC_013540	MGME1	chr20:17949761-17971762	0.163265	0.999791
XLOC_007328	XLOC_007328	IDH3A	chr15:78441718-78462884	0.163285	0.999791
XLOC_003366	XLOC_003366	PRMT3	chr11:20409075-20530879	0.163309	0.999791
XLOC_008195	XLOC_008195	CDH3	chr16:68678150-68732957	0.163358	1
XLOC_018471	XLOC_018471	PLN	chr6:118781934-119031238	0.163377	1
XLOC_010178	XLOC_010178	MOCOS	chr18:33767479-33848685	0.163537	0.999791
XLOC_009136	XLOC_009136	KPNB1	chr17:45727203-45761004	0.163546	0.999791
XLOC_020962	XLOC_020962	TRA2A	chr7:23544400-23571656	0.163591	0.999791
XLOC_015749	XLOC_015749	DUSP7	chr3:52082936-52090461	0.163651	0.999791
XLOC_017127	XLOC_017127	ITGA2	chr5:52285155-52390609	0.163654	0.999791
XLOC_016059	XLOC_016059	RPL22L1	chr3:170582664-170588045	0.16366	0.999791
XLOC_021788	XLOC_021788	SPATC1	chr8:145086581-145102015	0.163771	1
XLOC_015414	XLOC_015414	TIPARP	chr3:156390959-156424557	0.163772	0.999791
XLOC_017627	XLOC_017627	LOC100506548	chr5:40825364-40829244	0.16378	0.999791
XLOC_009978	XLOC_009978	TRIM65	chr17:73885040-73893084	0.163785	0.999791
XLOC_001659	XLOC_001659	DNTTIP2	chr1:94335013-94344762	0.163817	0.999791
XLOC_016655	XLOC_016655	PPP2R2C	chr4:6322304-6565327	0.163847	1
XLOC_020637	XLOC_020637	ZKSCAN1	chr7:99613218-99635403	0.163862	0.999791
XLOC_012380	XLOC_012380	POLR1B	chr2:113299491-113334727	0.163892	0.999791
XLOC_009214	XLOC_009214	C17orf82	chr17:59489111-59490641	0.163975	1
XLOC_005344	XLOC_005344	RECQL	chr12:21590537-21654603	0.164113	0.999791
XLOC_015905	XLOC_015905	PARP9	chr3:122246759-122294049	0.164206	0.999791
XLOC_015278	XLOC_015278	ADPRH	chr3:119298522-119308792	0.164362	0.999791
XLOC_016073	XLOC_016073	GNB4	chr3:179113875-179169371	0.164383	1
XLOC_004980	XLOC_004980	CPSF6	chr12:69633316-69668138	0.164504	0.999791
XLOC_005348	XLOC_005348	ABCC9	chr12:21950323-22089628	0.164524	0.999791
XLOC_012356	XLOC_012356	RGPD4	chr2:108443387-108509000	0.164551	1
XLOC_004921	XLOC_004921	PA2G4	chr12:56498102-56507694	0.164658	0.999791
XLOC_012198	XLOC_012198	AHSA2	chr2:61404554-61697849	0.164801	0.999791
XLOC_008789	XLOC_008789	RABEP1	chr17:5185557-5289132	0.164803	0.999791
XLOC_022611	XLOC_022611	ASS1	chr9:133320093-133376661	0.164813	0.999791
XLOC_010201	XLOC_010201	ELAC1	chr18:48494386-48514490	0.164821	0.999791
XLOC_018874	XLOC_018874	GUCA1B	chr6:42151021-42162694	0.164823	0.999791
XLOC_018903	XLOC_018903	CYP39A1	chr6:46517444-46620523	0.164856	0.999791
XLOC_021807	XLOC_021807	ZNF517	chr8:146024260-146034529	0.165157	0.999791
XLOC_005119	XLOC_005119	PLBD2	chr12:113796370-113827458	0.165181	0.999791
XLOC_012060	XLOC_012060	DDX1	chr2:15731744-15771235	0.165229	0.999791
XLOC_007503	XLOC_007503	RASGRP1	chr15:38780301-38857007	0.165241	0.999791
XLOC_017586	XLOC_017586	ZNF622	chr5:16451627-16465894	0.165266	0.999791
XLOC_021623	XLOC_021623	CSPP1	chr8:67976602-68108849	0.165425	0.999791
XLOC_003053	XLOC_003053	MYOF	chr10:95066185-95242074	0.165436	0.999791

XLOC_020535	XLOC_020535	LOC100093631	chr7:72569011-72621336	0.165484	0.999791
XLOC_013388	XLOC_013388	FARSB	chr2:223436161-223520827	0.1655	0.999791
XLOC_021158	XLOC_021158	PEX1	chr7:92116336-92157845	0.165555	0.999791
XLOC_005523	XLOC_005523	STAT2	chr12:56735381-56754037	0.165566	0.999791
XLOC_015963	XLOC_015963	ANAPC13	chr3:134196545-134293855	0.165562	0.999791
XLOC_016844	XLOC_016844	NAP1L5	chr4:89513573-89629693	0.165686	0.999791
XLOC_012182	XLOC_012182	ACYP2	chr2:54342409-54532435	0.165689	0.999791
XLOC_015745	XLOC_015745	RRP9	chr3:51967441-51975957	0.165724	0.999791
XLOC_006215	XLOC_006215	ARGLU1	chr13:107195661-107220514	0.165767	0.999791
XLOC_018383	XLOC_018383	SENP6	chr6:76311621-76427994	0.165929	0.999791
XLOC_023304	XLOC_023304	POLA1	chrX:24712063-25015102	0.165977	0.999791
XLOC_012891	XLOC_012891	THADA	chr2:43457974-43823185	0.165999	0.999791
XLOC_008476	XLOC_008476	PALB2	chr16:23614482-23652678	0.166033	0.999791
XLOC_005190	XLOC_005190	RAN	chr12:131356616-131360826	0.166036	0.999791
XLOC_014769	XLOC_014769	PES1	chr22:30972611-31003000	0.166124	0.999791
XLOC_008876	XLOC_008876	UBB	chr17:16284366-16286054	0.166228	0.999791
XLOC_010730	XLOC_010730	ZNF429	chr19:21688436-21721079	0.166354	0.999791
XLOC_011457	XLOC_011457	TNPO2	chr19:12810007-12834810	0.166435	0.999791
XLOC_014581	XLOC_014581	XPNPEP3	chr22:41253084-41328823	0.166684	0.999791
XLOC_009971	XLOC_009971	RECQL5	chr17:73584138-73663269	0.166786	0.999791
XLOC_015687	XLOC_015687	CCDC51	chr3:48473579-48481529	0.166811	0.999791
XLOC_019062	XLOC_019062	MAN1A1	chr6:119498365-119670931	0.166833	0.999791
XLOC_014872	XLOC_014872	MCAT	chr22:43528211-43539403	0.16684	0.999791
XLOC_012567	XLOC_012567	NABP1	chr2:192542797-192553248	0.166869	0.999791
XLOC_017662	XLOC_017662	SLC38A9	chr5:54921672-55008163	0.166951	0.999791
XLOC_013678	XLOC_013678	STK4	chr20:43595119-43708593	0.166958	0.999791
XLOC_007832	XLOC_007832	WDR90	chr16:699362-717829	0.16702	0.999791
XLOC_001490	XLOC_001490	HIVEP3	chr1:41972035-42501596	0.167051	1
XLOC_018384	XLOC_018384	MYO6	chr6:76458908-76629254	0.167122	0.999791
XLOC_013230	XLOC_013230	SLC25A12	chr2:172639914-172750816	0.167169	0.999791
XLOC_006997	XLOC_006997	JAG2	chr14:105607317-105635161	0.167219	0.999791
XLOC_008518	XLOC_008518	SEPHS2	chr16:30454951-30457224	0.167235	0.999791
XLOC_015733	XLOC_015733	TUSC2	chr3:50362340-50365668	0.167242	0.999791
XLOC_006453	XLOC_006453	FOS	chr14:75745480-75748937	0.16728	0.999791
XLOC_021342	XLOC_021342	ZC3HAV1	chr7:138728265-138794465	0.167332	0.999791
XLOC_001130	XLOC_001130	KMO	chr1:241695433-241803701	0.167377	1
XLOC_015988	XLOC_015988	LOC100289361	chr3:142719686-142720309	0.167528	0.999791
XLOC_017484	XLOC_017484	RPL26L1	chr5:172386438-172396774	0.16756	0.999791
XLOC_007631	XLOC_007631	MTFMT	chr15:65293849-65321977	0.167584	0.999791
XLOC_003932	XLOC_003932	LOC100133161	chr11:126986-131920	0.167642	1
XLOC_006857	XLOC_006857	MAX	chr14:65381078-65569413	0.167654	0.999791
XLOC_015394	XLOC_015394	RNF13	chr3:149530474-149679925	0.167673	0.999791
XLOC_018699	XLOC_018699	HIST1H2BL	chr6:27775256-27775709	0.167764	0.999791
XLOC_007869	XLOC_007869	TSC2	chr16:2097989-2185899	0.16784	0.999791
XLOC_000487	XLOC_000487	CLCA2	chr1:86889768-86922240	0.168045	1
XLOC_013721	XLOC_013721	MOCS3	chr20:49575350-49578399	0.168223	0.999791
XLOC_006285	XLOC_006285	NGDN	chr14:23938897-23947402	0.16829	0.999791
XLOC_013016	XLOC_013016	TMEM150A	chr2:85825669-85829822	0.168389	0.999791
XLOC_000017	XLOC_000017	SCNN1D	chr1:1215815-1227409	0.168431	0.999791
XLOC_000743	XLOC_000743	CHRNA2	chr1:154540256-154552353	0.168503	1
XLOC_001095	XLOC_001095	RNF187	chr1:228675067-228683889	0.168566	0.999791
XLOC_014199	XLOC_014199	RRP1	chr21:45209417-45223983	0.168623	0.999791
XLOC_014650	XLOC_014650	MAPK8IP2	chr22:51039130-51049979	0.168629	0.999791
XLOC_015541	XLOC_015541	FYTTD1	chr3:197398258-197511317	0.168642	0.999791
XLOC_005574	XLOC_005574	MDM1	chr12:68688345-68726161	0.168683	0.999791
XLOC_021223	XLOC_021223	ACHE	chr7:100487614-100493541	0.168727	0.999791
XLOC_006943	XLOC_006943	MOAP1	chr14:93648540-93651249	0.168935	0.999791
XLOC_022037	XLOC_022037	LACTB2	chr8:71520811-71581447	0.169029	0.999791
XLOC_014621	XLOC_014621	ATXN10	chr22:46067677-46241187	0.169153	0.999791
XLOC_018418	XLOC_018418	UFL1	chr6:96969701-97003151	0.16917	0.999791
XLOC_020414	XLOC_020414	TAX1BP1	chr7:27778991-27869386	0.169186	0.999791
XLOC_001745	XLOC_001745	TBX15	chr1:119425665-119532179	0.169209	1
XLOC_016994	XLOC_016994	CBR4	chr4:169908741-169931468	0.169317	0.999791
XLOC_013116	XLOC_013116	SLC35F5	chr2:114471932-114514400	0.169514	0.999791
XLOC_022300	XLOC_022300	MTAP	chr9:21802634-21865969	0.169548	0.999791
XLOC_014819	XLOC_014819	PLA2G6	chr22:38507501-38577836	0.169574	0.999791
XLOC_015157	XLOC_015157	PDE12	chr3:57541980-57547768	0.169618	0.999791
XLOC_020844	XLOC_020844	ZNF862	chr7:149535508-149564568	0.169618	0.999791
XLOC_003395	XLOC_003395	CAPRN1	chr11:34073229-34124157	0.169632	0.999791
XLOC_001623	XLOC_001623	CTBS	chr1:85018803-85040163	0.169682	0.999791
XLOC_001700	XLOC_001700	LOC440600	chr1:110828998-110881793	0.169762	1
XLOC_018891	XLOC_018891	GTPBP2	chr6:43543877-43596936	0.169804	0.999791
XLOC_007819	XLOC_007819	LOC100134368	chr16:432240-442960	0.169885	1
XLOC_020665	XLOC_020665	SERPINE1	chr7:100770369-100782547	0.169902	0.999791
XLOC_021103	XLOC_021103	BAZ1B	chr7:72854727-72936615	0.169931	0.999791
XLOC_008081	XLOC_008081	ZNF720	chr16:31724549-3172886	0.170044	0.999791
XLOC_012688	XLOC_012688	SP140L	chr2:231191893-231268445	0.170046	0.999791
XLOC_017241	XLOC_017241	RHOBTB3	chr5:95066849-95132071	0.170087	0.999791
XLOC_013015	XLOC_013015	GGCX	chr2:85766100-85788657	0.170194	0.999791

XLOC_022122	XLOC_022122	PABPC1	chr8:101715143-101734315	0.170213	0.999791
XLOC_024316	XLOC_024316	CD24	chrY:21094584-21239302	0.170282	0.999791
XLOC_016203	XLOC_016203	LOC93622	chr4:6675820-6677774	0.170381	0.999791
XLOC_018409	XLOC_018409	PM20D2	chr6:89855768-89875288	0.170471	0.999791
XLOC_003612	XLOC_003612	FRMD8	chr11:65154040-65180995	0.170498	0.999791
XLOC_014910	XLOC_014910	ODF3B	chr22:50968837-50971008	0.170517	0.999791
XLOC_004217	XLOC_004217	MED19	chr11:57471186-57479673	0.170586	0.999791
XLOC_008063	XLOC_008063	FBXL19	chr16:30930639-30960104	0.170732	0.999791
XLOC_004982	XLOC_004982	YEATS4	chr12:69753531-69784576	0.170883	0.999791
XLOC_022063	XLOC_022063	SLC10A5	chr8:82605890-82607207	0.170962	0.999791
XLOC_010826	XLOC_010826	ZNF540	chr19:38039850-38105079	0.170968	1
XLOC_017443	XLOC_017443	PPP1R2P3	chr5:156277548-156279539	0.171134	1
XLOC_002111	XLOC_002111	LMOD1	chr1:201865583-201915716	0.171189	1
XLOC_012175	XLOC_012175	MSH2	chr2:47630205-47710367	0.171198	0.999791
XLOC_006480	XLOC_006480	SPATA7	chr14:88851987-88904804	0.171265	0.999791
XLOC_017305	XLOC_017305	LYRM7	chr5:130506640-130541119	0.171315	0.999791
XLOC_023165	XLOC_023165	SNAPC4	chr9:139270028-139292889	0.171436	0.999791
XLOC_011224	XLOC_011224	ZNF749	chr19:57946692-57957191	0.171532	0.999791
XLOC_005640	XLOC_005640	CDK17	chr12:96672038-96794366	0.171538	0.999791
XLOC_021141	XLOC_021141	PCLO	chr7:82383320-82792197	0.171648	1
XLOC_020790	XLOC_020790	AGK	chr7:141251077-141354209	0.171695	0.999791
XLOC_019040	XLOC_019040	REV3L	chr6:111620233-111804414	0.171758	0.999791
XLOC_022500	XLOC_022500	FAM206A	chr9:111696672-111703237	0.171759	0.999791
XLOC_008256	XLOC_008256	MLYCD	chr16:83932729-83949787	0.171905	0.999791
XLOC_017024	XLOC_017024	MLF1IP	chr4:185570766-185655286	0.171945	0.999791
XLOC_017668	XLOC_017668	PDE4D	chr5:58264865-59843484	0.171946	0.999791
XLOC_006223	XLOC_006223	CARS2	chr13:111293756-111358480	0.171947	0.999791
XLOC_002536	XLOC_002536	PIPF	chr10:81107219-81115089	0.172066	0.999791
XLOC_008939	XLOC_008939	SUPT6H	chr17:26989301-27029249	0.172406	0.999791
XLOC_009336	XLOC_009336	BAHCC1	chr17:79373539-79433358	0.172431	0.999791
XLOC_016097	XLOC_016097	TRA2B	chr3:185632357-185655924	0.172547	0.999791
XLOC_010830	XLOC_010830	C19orf33	chr19:38794199-38806606	0.172612	0.999791
XLOC_005079	XLOC_005079	PWP1	chr12:108079589-108106257	0.17271	0.999791
XLOC_019145	XLOC_019145	RMND1	chr6:151725896-151773316	0.172726	0.999791
XLOC_002615	XLOC_002615	CCNJ	chr10:97471535-97849992	0.172773	0.999791
XLOC_002630	XLOC_002630	MARVELD1	chr10:99473464-99477909	0.172794	0.999791
XLOC_006757	XLOC_006757	HEATR5A	chr14:31760993-31889788	0.172834	0.999791
XLOC_011624	XLOC_011624	ZNF260	chr19:37001588-37019248	0.172946	0.999791
XLOC_008527	XLOC_008527	ZNF629	chr16:30789769-30798523	0.173048	0.999791
XLOC_006217	XLOC_006217	LIG4	chr13:108859791-108870716	0.173082	0.999791
XLOC_009431	XLOC_009431	C1QBP	chr17:5289345-5342471	0.17314	0.999791
XLOC_018873	XLOC_018873	C6orf132	chr6:42068856-42110715	0.173146	0.999791
XLOC_021389	XLOC_021389	ZNF467	chr7:149461452-149470295	0.173257	0.999791
XLOC_010604	XLOC_010604	ZNF69	chr19:11998669-12025365	0.173289	0.999791
XLOC_010838	XLOC_010838	ACTN4	chr19:39138266-39235114	0.17342	0.999791
XLOC_001739	XLOC_001739	CD58	chr1:117057155-117113715	0.17349	0.999791
XLOC_003640	XLOC_003640	CNIH2	chr1:166045671-166051685	0.173495	0.999791
XLOC_004358	XLOC_004358	PITPNM1	chr1:167259238-67272843	0.173559	0.999791
XLOC_004955	XLOC_004955	TSFM	chr12:58176527-58209852	0.173588	0.999791
XLOC_014412	XLOC_014412	COMT	chr22:19863039-20004309	0.173669	0.999791
XLOC_011740	XLOC_011740	ZFP112	chr19:44830705-44860856	0.173703	0.999791
XLOC_011216	XLOC_011216	AURKC	chr19:57742376-57746916	0.173705	0.999791
XLOC_012565	XLOC_012565	GLS	chr2:191745546-191830270	0.17378	0.999791
XLOC_006397	XLOC_006397	ZBTB1	chr14:64971291-65000408	0.173804	0.999791
XLOC_005452	XLOC_005452	SMAGP	chr12:51632507-51664202	0.173815	0.999791
XLOC_015275	XLOC_015275	ARHGAP31	chr3:119013219-119138323	0.173926	0.999791
XLOC_011567	XLOC_011567	ZNF43	chr19:21987750-22034870	0.174042	1
XLOC_016255	XLOC_016255	NCAPG	chr4:17812435-18023483	0.174043	0.999791
XLOC_011918	XLOC_011918	ZNF611	chr19:53206065-53238307	0.174173	0.999791
XLOC_004228	XLOC_004228	LPXN	chr11:58294343-58345639	0.174309	0.999791
XLOC_015699	XLOC_015699	SLC25A20	chr3:48894355-48936426	0.17446	0.999791
XLOC_000449	XLOC_000449	GADD45A	chr1:68150859-68154021	0.17449	0.999791
XLOC_002507	XLOC_002507	CDH23	chr10:73156690-73575704	0.17465	1
XLOC_005587	XLOC_005587	MRS2P2	chr12:72233486-72320629	0.174723	1
XLOC_007688	XLOC_007688	CYP1A1	chr15:75011882-75017877	0.174751	1
XLOC_007795	XLOC_007795	ADAMTS17	chr15:100511642-100882183	0.174841	1
XLOC_021929	XLOC_021929	CCDC25	chr8:27590832-27630170	0.174909	0.999791
XLOC_000741	XLOC_000741	IL6R	chr1:154377668-154441926	0.175055	0.999791
XLOC_013075	XLOC_013075	RNF149	chr2:101892062-101925178	0.17509	0.999791
XLOC_017658	XLOC_017658	DHX29	chr5:54552072-54603521	0.175102	0.999791
XLOC_006836	XLOC_006836	L3HYPDH	chr14:59939405-59951073	0.175151	0.999791
XLOC_005522	XLOC_005522	CNPY2,PAN2	chr12:56704212-56727837	0.175249	0.999791
XLOC_000492	XLOC_000492	HS2ST1	chr1:87380334-87575681	0.175299	0.999791
XLOC_014458	XLOC_014458	SLC2A11	chr22:24199058-24227725	0.17538	0.999791
XLOC_006282	XLOC_006282	BCL2L2,BCL2L2-PABPN1,PABPN1	chr14:23775970-23795394	0.175467	0.999791
XLOC_017330	XLOC_017330	PCBD2	chr5:134240809-134298336	0.175517	0.999791
XLOC_005662	XLOC_005662	GNN	chr12:104237526-104323989	0.175629	1
XLOC_017912	XLOC_017912	FAM114A2	chr5:153371268-153418497	0.175633	0.999791
XLOC_019125	XLOC_019125	PLAGL1	chr6:144261436-144385735	0.175708	0.999791

XLOC_015060	XLOC_015060	ZNF197	chr3:44666510-44689963	0.175927	0.999791
XLOC_009941	XLOC_009941	LINC00673	chr17:70399462-70588943	0.175955	1
XLOC_023880	XLOC_023880	HSD17B10	chrX:53458205-53461323	0.176053	0.999791
XLOC_017833	XLOC_017833	FAM13B	chr5:137225124-137368802	0.176089	0.999791
XLOC_014116	XLOC_014116	GABPA	chr21:27096790-27144771	0.176129	0.999791
XLOC_020965	XLOC_020965	OSBPL3	chr7:24836163-25019760	0.17615	0.999791
XLOC_005911	XLOC_005911	HNRNPA1L2	chr13:53191604-53217919	0.176226	0.999791
XLOC_012145	XLOC_012145	GALM	chr2:38893051-38961909	0.176351	0.999791
XLOC_000399	XLOC_000399	SCP2	chr1:53392900-53517289	0.176419	0.999791
XLOC_009615	XLOC_009615	NLE1	chr17:33458367-33469322	0.17652	0.999791
XLOC_015588	XLOC_015588	FGD5-AS1	chr3:14984285-15106816	0.176538	0.999791
XLOC_014197	XLOC_014197	RRP1B	chr21:45079431-45115960	0.176556	0.999791
XLOC_004797	XLOC_004797	BICD1	chr12:32260184-32531141	0.176557	1
XLOC_017809	XLOC_017809	VDAC1	chr5:133307565-133340824	0.176613	0.999791
XLOC_002473	XLOC_002473	ARID5B	chr10:63661012-63856707	0.176803	1
XLOC_000341	XLOC_000341	DPH2	chr1:44435652-44439043	0.176862	0.999791
XLOC_014174	XLOC_014174	WRB	chr21:40752212-40769815	0.176958	0.999791
XLOC_020966	XLOC_020966	CYCS	chr7:25158269-25164980	0.177272	0.999791
XLOC_011215	XLOC_011215	ZNF264	chr19:57702867-57734214	0.177276	0.999791
XLOC_016486	XLOC_016486	LOC645513	chr4:120375937-120549981	0.177482	0.999791
XLOC_007888	XLOC_007888	FLJ42627	chr16:2688982-2696130	0.177527	0.999791
XLOC_002666	XLOC_002666	LOC100505761	chr10:104209573-104216050	0.177528	0.999791
XLOC_021500	XLOC_021500	POLR3D	chr8:22102618-22108680	0.177553	0.999791
XLOC_007799	XLOC_007799	LINS	chr15:101109427-101142445	0.177574	0.999791
XLOC_007394	XLOC_007394	TICRR	chr15:90118817-90198682	0.177707	0.999791
XLOC_010970	XLOC_010970	DHX34	chr19:47852537-47885961	0.177765	0.999791
XLOC_009365	XLOC_009365	VPS53	chr17:411907-618096	0.177793	0.999791
XLOC_022682	XLOC_022682	C9orf139	chr9:139901685-139931234	0.178104	1
XLOC_010321	XLOC_010321	LOC100652770	chr18:29078026-29136874	0.178174	1
XLOC_012285	XLOC_012285	MRPL35	chr2:86426555-86440477	0.178201	0.999791
XLOC_007371	XLOC_007371	GOLGA6L4	chr15:84904524-84914120	0.178351	1
XLOC_016510	XLOC_016510	NAA15	chr4:140211070-140311935	0.178415	0.999791
XLOC_010677	XLOC_010677	GTPBP3	chr19:17445790-17453540	0.178437	0.999791
XLOC_022756	XLOC_022756	KLHL9	chr9:21331017-21335429	0.17847	0.999791
XLOC_004263	XLOC_004263	EML3	chr11:62369690-62382592	0.178727	0.999791
XLOC_017087	XLOC_017087	GUSBP1	chr5:21459588-21589481	0.178732	0.999791
XLOC_000925	XLOC_000925	DHX9	chr1:182808438-182857117	0.178831	0.999791
XLOC_016836	XLOC_016836	KLHL8	chr4:88082213-88141674	0.178955	0.999791
XLOC_004412	XLOC_004412	ARRB1	chr11:74971165-75062875	0.178994	0.999791
XLOC_021635	XLOC_021635	TMEM70	chr8:74888376-74895018	0.179094	0.999791
XLOC_015765	XLOC_015765	MUSTN1, TMEM110, TMEM110-M	chr3:52867130-52931597	0.179095	0.999791
XLOC_014137	XLOC_014137	HUNK	chr21:33245627-33376377	0.179193	0.999791
XLOC_017023	XLOC_017023	CASP3	chr4:185548849-185570629	0.179193	0.999791
XLOC_001815	XLOC_001815	RFX5	chr1:151313115-151319769	0.179208	0.999791
XLOC_009932	XLOC_009932	WIPI1	chr17:66417421-66453653	0.179279	0.999791
XLOC_021770	XLOC_021770	LY6K	chr8:143781528-143808391	0.179549	1
XLOC_008787	XLOC_008787	USP6	chr17:5031686-5078324	0.1796	1
XLOC_014069	XLOC_014069	TCFL5	chr20:61448413-61493115	0.1796	0.999791
XLOC_024118	XLOC_024118	ATP11C	chrX:138808504-138914447	0.180026	0.999791
XLOC_008164	XLOC_008164	CES2	chr16:66968346-66978994	0.180064	0.999791
XLOC_020359	XLOC_020359	AIMP2	chr7:6048881-6098860	0.180105	0.999791
XLOC_018107	XLOC_018107	HIST1H2BI	chr6:26273203-26273640	0.180191	1
XLOC_012919	XLOC_012919	PNPT1	chr2:55861197-55921045	0.180345	0.999791
XLOC_022695	XLOC_022695	NOXA1	chr9:140317846-140335901	0.180362	0.999791
XLOC_012147	XLOC_012147	MORN2	chr2:39103102-39109850	0.180364	0.999791
XLOC_007331	XLOC_007331	IREB2	chr15:78730517-78793798	0.180382	0.999791
XLOC_005059	XLOC_005059	DRAM1	chr12:102271104-102317401	0.180424	0.999791
XLOC_012558	XLOC_012558	ASNSD1	chr2:190526124-190535557	0.180426	0.999791
XLOC_014937	XLOC_014937	IL17RE	chr3:9944295-9958084	0.180474	0.999791
XLOC_007127	XLOC_007127	C15orf55	chr15:34638065-34649931	0.180479	1
XLOC_001226	XLOC_001226	MEGF6	chr1:3404505-3528059	0.180568	0.999791
XLOC_005083	XLOC_005083	ISCU	chr12:108956293-108963160	0.18058	0.999791
XLOC_015931	XLOC_015931	MGLL	chr3:127407904-127542093	0.180711	0.999791
XLOC_013548	XLOC_013548	DTD1	chr20:18568555-18744560	0.180756	0.999791
XLOC_007773	XLOC_007773	PLIN1	chr15:90207599-90222648	0.180763	1
XLOC_001460	XLOC_001460	C1orf109	chr1:38147241-38156192	0.180798	0.999791
XLOC_020883	XLOC_020883	NOM1	chr7:156742416-156765876	0.1808	0.999791
XLOC_011370	XLOC_011370	PEX11G	chr19:7541755-7553924	0.18085	0.999791
XLOC_002550	XLOC_002550	GHITM	chr10:85899184-85913311	0.180931	0.999791
XLOC_007222	XLOC_007222	PIGB	chr15:55611132-55800432	0.180971	0.999791
XLOC_023510	XLOC_023510	RPA4	chrX:95939661-96855597	0.180975	1
XLOC_020989	XLOC_020989	LOC646762,ZNRF2P2	chr7:29685537-29727859	0.180981	0.999791
XLOC_001554	XLOC_001554	MAGOH	chr1:53692563-53793821	0.181018	0.999791
XLOC_014879	XLOC_014879	LDOC1L	chr22:44888449-44894005	0.181033	0.999791
XLOC_004729	XLOC_004729	LOC100129361	chr12:10998447-11328619	0.181158	0.999791
XLOC_014969	XLOC_014969	SH3BP5-AS1	chr3:15295690-15382901	0.181167	0.999791
XLOC_012415	XLOC_012415	TSN	chr2:122513120-122525428	0.181216	0.999791
XLOC_001908	XLOC_001908	CCT3	chr1:156278751-156316785	0.18133	0.999791
XLOC_002216	XLOC_002216	LIN9	chr1:226418849-226497449	0.181398	0.999791

XLOC_015893	XLOC_015893	LRRC58	chr3:120043575-120068186	0.181477	0.999791
XLOC_021526	XLOC_021526	EPHX2	chr8:27348518-27402439	0.181492	0.999791
XLOC_017696	XLOC_017696	ENC1	chr5:73923230-73937249	0.181533	0.999791
XLOC_002486	XLOC_002486	CCAR1	chr10:70480970-70551309	0.181626	0.999791
XLOC_018029	XLOC_018029	BPHL	chr6:3118925-3153432	0.181687	0.999791
XLOC_009141	XLOC_009141	PNPO	chr17:46018888-46026674	0.181703	0.999791
XLOC_001818	XLOC_001818	CELF3	chr1:151672533-151689290	0.181785	1
XLOC_004973	XLOC_004973	HELB	chr12:66696334-66737423	0.181858	0.999791
XLOC_022483	XLOC_022483	RNF20	chr9:104296132-104325626	0.181925	0.999791
XLOC_013557	XLOC_013557	XRN2	chr20:21283941-21370463	0.182027	0.999791
XLOC_005871	XLOC_005871	AKAP11	chr13:42846288-42897403	0.182146	0.999791
XLOC_005406	XLOC_005406	RAPGEF3	chr12:48128452-48152889	0.182252	0.999791
XLOC_000188	XLOC_000188	CLIC4	chr1:25071759-25170815	0.182294	0.999791
XLOC_004641	XLOC_004641	CCDC77	chr12:389222-551806	0.182305	0.999791
XLOC_011539	XLOC_011539	CRLF1	chr19:18704034-18717660	0.182475	0.999791
XLOC_003638	XLOC_003638	KLC2	chr11:66024764-66035332	0.182524	0.999791
XLOC_015283	XLOC_015283	GTF2E1	chr3:120461557-120501916	0.182571	0.999791
XLOC_012732	XLOC_012732	SCLY,UBE2F	chr2:238875586-239008054	0.182825	0.999791
XLOC_017272	XLOC_017272	AQPEP	chr5:115298150-115363299	0.182848	1
XLOC_016098	XLOC_016098	ETV5	chr3:185764105-185826901	0.182865	0.999791
XLOC_017076	XLOC_017076	CCT5	chr5:10250281-10266501	0.183008	0.999791
XLOC_000392	XLOC_000392	BTF3L4	chr1:52521856-52556388	0.183225	0.999791
XLOC_022612	XLOC_022612	FUBP3	chr9:133454959-133513739	0.183346	0.999791
XLOC_000500	XLOC_000500	LRRC8D	chr1:90286572-90401989	0.183358	0.999791
XLOC_006794	XLOC_006794	DNAAF2	chr14:50091891-50101948	0.183377	0.999791
XLOC_018623	XLOC_018623	TUBB2B	chr6:3224494-3227968	0.183475	0.999791
XLOC_013266	XLOC_013266	NEUROD1	chr2:182540832-182545392	0.183511	1
XLOC_010291	XLOC_010291	SPIRE1	chr18:12446510-12657912	0.183555	0.999791
XLOC_009354	XLOC_009354	HEXDC	chr17:80347085-80480707	0.183568	0.999791
XLOC_020549	XLOC_020549	LAT2	chr7:73624086-73644164	0.183583	0.999791
XLOC_012484	XLOC_012484	PSMD14	chr2:162164785-162268228	0.183706	0.999791
XLOC_001633	XLOC_001633	ZNHIT6	chr1:86115105-86174116	0.183759	0.999791
XLOC_004058	XLOC_004058	ST5	chr11:8714898-8932498	0.183828	0.999791
XLOC_007929	XLOC_007929	ALG1	chr16:5121809-5147789	0.184003	0.999791
XLOC_006187	XLOC_006187	UGGT2	chr13:96453835-96705736	0.184089	0.999791
XLOC_016404	XLOC_016404	C4orf22	chr4:81256873-81884910	0.184142	0.999791
XLOC_003802	XLOC_003802	DDX10	chr11:108535815-108811648	0.184208	0.999791
XLOC_001056	XLOC_001056	LYPLAL1	chr1:219347191-219386207	0.184288	0.999791
XLOC_004642	XLOC_004642	B4GALNT3	chr12:569542-671058	0.184388	0.999791
XLOC_017773	XLOC_017773	CCDC112	chr5:114602884-114632458	0.184404	0.999791
XLOC_004447	XLOC_004447	ME3	chr11:86152149-86383678	0.184627	0.999791
XLOC_014027	XLOC_014027	DPM1	chr20:49551404-49575060	0.184628	0.999791
XLOC_016035	XLOC_016035	RARRRES1	chr3:158414896-158450275	0.184813	0.999791
XLOC_015557	XLOC_015557	SRGAP3	chr3:9022275-9291369	0.184974	1
XLOC_007657	XLOC_007657	CLN6	chr15:68499329-68522080	0.184987	0.999791
XLOC_004737	XLOC_004737	APOLD1	chr12:12878850-12944399	0.184992	1
XLOC_023082	XLOC_023082	PTRH1	chr9:130469270-130477936	0.185004	0.999791
XLOC_001245	XLOC_001245	DNAJC11	chr1:6684924-6761966	0.185176	0.999791
XLOC_012649	XLOC_012649	STK36	chr2:219528586-219567440	0.185225	0.999791
XLOC_014462	XLOC_014462	LOC391322	chr22:24373116-24374043	0.185309	0.999791
XLOC_008956	XLOC_008956	NSRP1	chr17:28443824-28513493	0.185323	0.999791
XLOC_007400	XLOC_007400	TTL13	chr15:90792763-90802312	0.185353	1
XLOC_017557	XLOC_017557	LPCAT1	chr5:1461541-1524076	0.185354	0.999791
XLOC_004634	XLOC_004634	LOC283174	chr11:133766329-133771635	0.185513	0.999791
XLOC_013799	XLOC_013799	PCMTD2	chr20:62887047-62907579	0.185568	0.999791
XLOC_001198	XLOC_001198	CPSF3L	chr1:1243993-1260067	0.185617	0.999791
XLOC_007919	XLOC_007919	DNAJA3	chr16:4475805-4506775	0.185642	0.999791
XLOC_006870	XLOC_006870	ERH	chr14:69846839-69865021	0.185711	0.999791
XLOC_009782	XLOC_009782	EFTUD2	chr17:42923720-42976993	0.185742	0.999791
XLOC_014804	XLOC_014804	TMPRSS6	chr22:37461478-37499693	0.185753	1
XLOC_018432	XLOC_018432	C6orf203	chr6:107349406-107372547	0.185774	0.999791
XLOC_020884	XLOC_020884	LOC645249	chr7:156803550-156809118	0.185815	0.999791
XLOC_023120	XLOC_023120	FAM78A	chr9:134133464-134151906	0.185933	0.999791
XLOC_011404	XLOC_011404	ZNF562	chr19:9759337-9785776	0.185968	0.999791
XLOC_007318	XLOC_007318	UBE2Q2	chr15:76135621-76193388	0.186063	0.999791
XLOC_009362	XLOC_009362	DOC2B	chr17:6010-31420	0.186066	0.999791
XLOC_022559	XLOC_022559	ARPCS5L	chr9:127631483-127639696	0.186092	0.999791
XLOC_005996	XLOC_005996	ATP11A	chr13:113344642-113541482	0.186246	0.999791
XLOC_018313	XLOC_018313	ABCC10	chr6:43395291-43423786	0.186265	0.999791
XLOC_019205	XLOC_019205	PDCD2	chr6:170884659-170893780	0.186323	0.999791
XLOC_001209	XLOC_001209	SLC35E2B	chr1:1571099-1655791	0.186342	0.999791
XLOC_009174	XLOC_009174	TOB1-AS1	chr17:48939586-48945732	0.186346	0.999791
XLOC_013664	XLOC_013664	IFT52	chr20:42219578-42275862	0.186353	0.999791
XLOC_017682	XLOC_017682	CCDC125	chr5:68576518-68616410	0.186387	0.999791
XLOC_004121	XLOC_004121	CCDC34	chr11:27360060-27384795	0.186407	0.999791
XLOC_012974	XLOC_012974	CYP26B1	chr2:7236366-72374963	0.186896	0.999791
XLOC_020652	XLOC_020652	FBXO24	chr7:100183955-100205798	0.186935	1
XLOC_000440	XLOC_000440	DNAJC6	chr1:65730376-65881552	0.18695	0.999791
XLOC_016307	XLOC_016307	OCIAD1	chr4:48833059-48863834	0.187023	0.999791

XLOC_011632	XLOC_011632	LOC284412	chr19:37756840-37759912	0.187064	0.999791
XLOC_002660	XLOC_002660	NOLC1	chr10:103911932-103923627	0.187075	0.999791
XLOC_006408	XLOC_006408	MPP5	chr14:67708011-67802778	0.187146	0.999791
XLOC_013282	XLOC_013282	TMEM194B	chr2:191371618-191399468	0.187195	0.999791
XLOC_005243	XLOC_005243	CHD4	chr12:6679247-6716551	0.187211	0.999791
XLOC_008502	XLOC_008502	KCTD13	chr16:29917656-29937545	0.187274	0.999791
XLOC_014493	XLOC_014493	EWSR1	chr22:29663997-29696515	0.187353	0.999791
XLOC_005630	XLOC_005630	CCDC41	chr12:94702055-94853764	0.187419	0.999791
XLOC_021132	XLOC_021132	PION	chr7:76940067-77045717	0.187516	0.999791
XLOC_017698	XLOC_017698	FAM169A	chr5:74073398-74162663	0.187526	0.999791
XLOC_015766	XLOC_015766	SFMBT1	chr3:52937582-53080089	0.187548	0.999791
XLOC_017466	XLOC_017466	RARS	chr5:167913462-167946309	0.187577	0.999791
XLOC_011671	XLOC_011671	FCGBP	chr19:40353962-40440533	0.187655	1
XLOC_012573	XLOC_012573	MARS2	chr2:198570027-198573114	0.187664	0.999791
XLOC_008823	XLOC_008823	EIF4A1, SENP3	chr17:7465308-7482324	0.187909	0.999791
XLOC_016165	XLOC_016165	TMEM175	chr4:926261-952443	0.187913	0.999791
XLOC_012557	XLOC_012557	WDR75	chr2:190306158-190340264	0.187937	0.999791
XLOC_020415	XLOC_020415	JAZF1-AS1	chr7:27870192-28280996	0.188047	1
XLOC_008878	XLOC_008878	C17orf76-AS1, SNORD49B	chr17:16342300-16395505	0.188111	0.999791
XLOC_001349	XLOC_001349	ASAP3	chr1:23755055-23810750	0.188147	0.999791
XLOC_014371	XLOC_014371	UBE2G2	chr21:46188494-46221751	0.188178	0.999791
XLOC_013941	XLOC_013941	EIF6	chr20:33866708-33872619	0.188232	0.999791
XLOC_017800	XLOC_017800	KIF3A	chr5:132028322-132073265	0.1883	0.999791
XLOC_017759	XLOC_017759	NUDT12	chr5:102884555-102898490	0.188365	0.999791
XLOC_001575	XLOC_001575	OMA1	chr1:58946390-59012446	0.188381	0.999791
XLOC_005516	XLOC_005516	WIBG	chr12:56295196-56321697	0.188495	0.999791
XLOC_012771	XLOC_012771	RNASEH1	chr2:3592690-3605940	0.188784	0.999791
XLOC_006818	XLOC_006818	CNIH	chr14:54893646-54908148	0.188812	0.999791
XLOC_008805	XLOC_008805	SLC16A13	chr17:693393-6943440	0.188824	0.999791
XLOC_020380	XLOC_020380	BZW2	chr7:16685758-16746148	0.188831	0.999791
XLOC_000365	XLOC_000365	TMEM69	chr1:46153846-46216485	0.188844	0.999791
XLOC_023748	XLOC_023748	HDHD1	chrX:6966960-7066231	0.189054	0.999791
XLOC_000836	XLOC_000836	DUSP12	chr1:161719580-161726952	0.18907	0.999791
XLOC_000030	XLOC_000030	CALML6	chr1:1846265-1848733	0.189123	1
XLOC_006472	XLOC_006472	ADCK1	chr14:78266425-78400297	0.18915	0.999791
XLOC_000069	XLOC_000069	SLC25A33	chr1:9599527-9642831	0.18917	0.999791
XLOC_002743	XLOC_002743	HMX3	chr10:124895566-124897247	0.189179	0.999791
XLOC_016090	XLOC_016090	THPO	chr3:184089772-184095932	0.18921	1
XLOC_005549	XLOC_005549	AGAP2	chr12:58118075-58135944	0.189216	0.999791
XLOC_013830	XLOC_013830	SLC4A11	chr20:3208062-3219887	0.189301	0.999791
XLOC_013699	XLOC_013699	SLC2A10	chr20:45338278-45364985	0.189383	0.999791
XLOC_020518	XLOC_020518	VKORC1L1	chr7:65338256-65419800	0.189386	0.999791
XLOC_017025	XLOC_017025	ACSL1	chr4:185676748-185747215	0.189389	0.999791
XLOC_010944	XLOC_010944	PPM1N	chr19:46001730-46005764	0.189905	0.999791
XLOC_002948	XLOC_002948	FAM13C	chr10:60936347-61122661	0.190026	1
XLOC_011556	XLOC_011556	ZNF14	chr19:19821280-19843921	0.190333	0.999791
XLOC_011047	XLOC_011047	ZNF473	chr19:50529211-50552031	0.190381	0.999791
XLOC_022889	XLOC_022889	NMRK1	chr9:77676115-77703133	0.190428	0.999791
XLOC_005693	XLOC_005693	C12orf76	chr12:110478982-110505500	0.190438	0.999791
XLOC_016413	XLOC_016413	ARHGAP24	chr4:86396283-86923823	0.190745	1
XLOC_017015	XLOC_017015	WWC2-AS2	chr4:184018173-184020352	0.190796	0.999791
XLOC_019100	XLOC_019100	BCLAF1	chr6:136578000-136610989	0.190799	0.999791
XLOC_002672	XLOC_002672	AS3MT, C10orf32	chr10:104613966-104661655	0.190851	0.999791
XLOC_023435	XLOC_023435	UBQLN2	chrX:56590025-56593443	0.190853	0.999791
XLOC_010183	XLOC_010183	PIK3C3	chr18:39535198-39661446	0.190877	0.999791
XLOC_005535	XLOC_005535	SDR9C7	chr12:57316937-57328189	0.191013	1
XLOC_018438	XLOC_018438	ARMC2	chr6:109169618-109295352	0.19107	1
XLOC_005196	XLOC_005196	PUS1	chr12:132413744-132428406	0.191092	0.999791
XLOC_007144	XLOC_007144	IVD	chr15:40697685-40713512	0.191158	0.999791
XLOC_001900	XLOC_001900	ARHGEF2	chr1:155916629-155948336	0.191163	0.999791
XLOC_023897	XLOC_023897	SPIN2B	chrX:57146114-57147979	0.191182	0.999791
XLOC_021026	XLOC_021026	C7orf25	chr7:42948871-42951689	0.191183	0.999791
XLOC_008301	XLOC_008301	LOC100128881	chr16:89773540-89883065	0.191285	0.999791
XLOC_005681	XLOC_005681	CORO1C	chr12:109038884-109125326	0.191443	0.999791
XLOC_010577	XLOC_010577	PDE4A	chr19:10527448-10580307	0.191466	0.999791
XLOC_008668	XLOC_008668	TXNL4B	chr16:72118755-72146811	0.191537	0.999791
XLOC_012235	XLOC_012235	ZNF638	chr2:71558884-71662191	0.191684	0.999791
XLOC_013950	XLOC_013950	LINC00657	chr20:34633539-34638882	0.191691	0.999791
XLOC_018658	XLOC_018658	TPMT	chr6:18128544-18155374	0.191727	0.999791
XLOC_020861	XLOC_020861	ABC8B	chr7:150725509-150744869	0.191802	0.999791
XLOC_017284	XLOC_017284	ZNF474	chr5:121465214-121489266	0.191834	0.999791
XLOC_007946	XLOC_007946	ERCC4	chr16:14014013-14046205	0.191923	0.999791
XLOC_012653	XLOC_012653	WNT10A	chr2:219745254-219758651	0.191971	0.999791
XLOC_011978	XLOC_011978	NLRP9	chr19:56219797-56249768	0.192215	1
XLOC_000198	XLOC_000198	FAM110D	chr1:26485510-26489119	0.192346	0.999791
XLOC_018446	XLOC_018446	GTF3C6	chr6:111279762-111289091	0.192493	0.999791
XLOC_003582	XLOC_003582	FERMT3	chr11:63974151-63993726	0.192579	1
XLOC_009577	XLOC_009577	PROCA1	chr17:27030533-27038872	0.192648	0.999791
XLOC_001371	XLOC_001371	PAFAH2	chr1:26286257-26324648	0.192894	0.999791

XLOC_012852	XLOC_012852	TRMT61B	chr2:29033699-29093175	0.193016	0.999791
XLOC_010612	XLOC_010612	ASNA1	chr19:12848305-12859137	0.193178	0.999791
XLOC_011917	XLOC_011917	ZNF83	chr19:53115617-53193886	0.193244	0.999791
XLOC_008674	XLOC_008674	RFWD3	chr16:74655296-74700779	0.193289	0.999791
XLOC_003073	XLOC_003073	RRP12	chr10:99116457-99161127	0.1934	0.999791
XLOC_006368	XLOC_006368	PELI2	chr14:56585092-56768031	0.193512	0.999791
XLOC_018789	XLOC_018789	AGER	chr6:32148744-32152099	0.193882	0.999791
XLOC_021487	XLOC_021487	SH2D4A	chr8:19171080-19253729	0.193983	0.999791
XLOC_001141	XLOC_001141	EFCAB2	chr1:245133170-245288530	0.193994	0.999791
XLOC_006419	XLOC_006419	KIAA0247	chr14:70078309-70181861	0.194028	0.999791
XLOC_008460	XLOC_008460	CRYM	chr16:21269838-21329912	0.194125	0.999791
XLOC_008637	XLOC_008637	DDX28	chr16:68055176-68113226	0.194143	0.999791
XLOC_006358	XLOC_006358	STYX	chr14:53196882-53241705	0.194357	0.999791
XLOC_015239	XLOC_015239	LOC344595	chr3:106959538-107045811	0.194407	0.999791
XLOC_008890	XLOC_008890	GID4	chr17:17942610-17971718	0.194432	0.999791
XLOC_022708	XLOC_022708	C9orf66	chr9:213107-465259	0.194432	1
XLOC_023049	XLOC_023049	TTL11	chr9:124584203-124855885	0.194479	0.999791
XLOC_012210	XLOC_012210	SLC1A4	chr2:65215578-65251000	0.194519	0.999791
XLOC_011767	XLOC_011767	SYMPK	chr19:46318699-46366548	0.194559	0.999791
XLOC_014047	XLOC_014047	PMEPA1	chr20:56223447-56286592	0.194637	0.999791
XLOC_001368	XLOC_001368	AUNIP	chr1:26160496-26185848	0.194744	0.999791
XLOC_017858	XLOC_017858	DND1	chr5:140044383-140053171	0.194799	0.999791
XLOC_009736	XLOC_009736	DNAJC7	chr17:40118758-40190044	0.195097	0.999791
XLOC_010452	XLOC_010452	MUM1	chr19:1354975-1378430	0.195342	0.999791
XLOC_013021	XLOC_013021	POLR1A	chr2:86253450-8633278	0.195376	0.999791
XLOC_008194	XLOC_008194	ZFP90	chr16:68573660-68601039	0.195615	0.999791
XLOC_022352	XLOC_022352	POLR1E	chr9:37485944-37503693	0.195677	0.999791
XLOC_009956	XLOC_009956	NAT9	chr17:72766685-72772470	0.195879	0.999791
XLOC_015663	XLOC_015663	LZTFL1	chr3:45864809-45957216	0.195938	0.999791
XLOC_006346	XLOC_006346	ATP5S	chr14:50779046-50792946	0.195972	0.999791
XLOC_003074	XLOC_003074	EXOSC1	chr10:99195665-99205768	0.195981	0.999791
XLOC_019070	XLOC_019070	ECHDC1	chr6:127609856-127664754	0.19619	0.999791
XLOC_000820	XLOC_000820	NIT1	chr1:161070345-161102478	0.19625	0.999791
XLOC_022263	XLOC_022263	SMARCA2	chr9:2015341-2193623	0.19633	0.999791
XLOC_006024	XLOC_006024	XPO4	chr13:21351467-21476913	0.196451	0.999791
XLOC_007341	XLOC_007341	C15orf37	chr15:80135888-80217196	0.196461	0.999791
XLOC_018929	XLOC_018929	GSTA4	chr6:52842745-52860178	0.196664	0.999791
XLOC_000763	XLOC_000763	MSTO1	chr1:155579960-155584758	0.196705	0.999791
XLOC_021808	XLOC_021808	ZNF7	chr8:146052902-146068606	0.196867	0.999791
XLOC_007889	XLOC_007889	KCTD5	chr16:2732494-2759031	0.196909	0.999791
XLOC_015322	XLOC_015322	ACAD9	chr3:128598332-128631957	0.196919	0.999791
XLOC_023696	XLOC_023696	PLXNB3	chrX:153029650-153044801	0.196948	0.999791
XLOC_017030	XLOC_017030	KIAA1430	chr4:186080818-186125182	0.196954	0.999791
XLOC_023144	XLOC_023144	RNU6ATAC	chr9:137029561-137029686	0.19699	0.999791
XLOC_016282	XLOC_016282	KLHL5	chr4:39046450-39127853	0.197048	0.999791
XLOC_015951	XLOC_015951	LOC339874	chr3:130745693-131100319	0.197081	1
XLOC_014378	XLOC_014378	SSR4P1	chr21:46490870-46493126	0.1972	0.999791
XLOC_004855	XLOC_004855	GRASP	chr12:52400728-52409673	0.197267	0.999791
XLOC_021691	XLOC_021691	POP1	chr8:99129520-99172069	0.197284	0.999791
XLOC_020383	XLOC_020383	HDAC9	chr7:18126571-19036992	0.197359	0.999791
XLOC_002058	XLOC_002058	ACBD6	chr1:180257351-180472022	0.197383	0.999791
XLOC_000006	XLOC_000006	SAMD11	chr1:861120-894679	0.197414	0.999791
XLOC_015559	XLOC_015559	LHFPL4	chr3:9540044-9595486	0.197508	0.999791
XLOC_010004	XLOC_010004	DNAH17	chr17:76374734-76573476	0.197514	1
XLOC_001093	XLOC_001093	HIST3H2BB	chr1:228645807-228646259	0.197579	1
XLOC_020750	XLOC_020750	SMKR1	chr7:129142319-129152773	0.197594	0.999791
XLOC_003817	XLOC_003817	DLAT	chr11:111895537-111944895	0.197621	0.999791
XLOC_020758	XLOC_020758	MEST	chr7:130126015-130371406	0.197688	0.999791
XLOC_016206	XLOC_016206	KIAA0232	chr4:6784458-6885899	0.197793	0.999791
XLOC_004586	XLOC_004586	HSPA8	chr11:122928199-122932901	0.197881	0.999791
XLOC_021012	XLOC_021012	KIAA0895	chr7:36363758-36493400	0.19791	0.999791
XLOC_022549	XLOC_022549	CRB2	chr9:126118447-126141032	0.198062	1
XLOC_021364	XLOC_021364	KEL	chr7:142638200-142659503	0.198194	1
XLOC_000917	XLOC_000917	MR1	chr1:181002560-181031074	0.19834	0.999791
XLOC_008251	XLOC_008251	PLCG2	chr16:81812898-81991899	0.198371	0.999791
XLOC_012305	XLOC_012305	KCNIP3	chr2:95963071-96051825	0.198491	0.999791
XLOC_001617	XLOC_001617	FUBP1	chr1:78413590-78444777	0.198595	0.999791
XLOC_006756	XLOC_006756	HECTD1	chr14:31569323-31676689	0.198649	0.999791
XLOC_002876	XLOC_002876	KIF5B	chr10:32297937-32345371	0.198818	0.999791
XLOC_011475	XLOC_011475	C19orf57	chr19:13993167-14016909	0.198977	0.999791
XLOC_018941	XLOC_018941	RAB23	chr6:57053581-57087078	0.199054	0.999791
XLOC_001508	XLOC_001508	TCTEX1D4	chr1:45266035-45272957	0.199081	1
XLOC_015578	XLOC_015578	LOC100129480	chr3:12581279-12586963	0.199234	1
XLOC_014311	XLOC_014311	RCAN1	chr21:35888783-35987382	0.199263	0.999791
XLOC_005672	XLOC_005672	LOC100505978	chr12:106751435-107283094	0.199356	1
XLOC_005237	XLOC_005237	SCNN1A	chr12:6456008-6500737	0.199633	0.999791
XLOC_002808	XLOC_002808	KIN	chr10:7792924-7829990	0.199669	0.999791
XLOC_009375	XLOC_009375	PITPNA	chr17:1420212-1466110	0.199869	0.999791
XLOC_017056	XLOC_017056	CEP72	chr5:612404-653666	0.200031	0.999791

XLOC_005218	XLOC_005218	FBXL14	chr12:1675158-1703331	0.20016	0.999791
XLOC_017543	XLOC_017543	C5orf55	chr5:441642-443258	0.200419	0.999791
XLOC_007213	XLOC_007213	AP4E1	chr15:51200868-51298097	0.200435	0.999791
XLOC_008647	XLOC_008647	NOB1	chr16:69775756-69788871	0.200536	0.999791
XLOC_007653	XLOC_007653	LCTL	chr15:66797430-66857835	0.200878	0.999791
XLOC_011505	XLOC_011505	OR10H1	chr19:15917816-15918936	0.200913	1
XLOC_009089	XLOC_009089	RND2	chr17:41177257-41184058	0.200989	0.999791
XLOC_017178	XLOC_017178	MCCC2	chr5:70883114-70954530	0.201002	0.999791
XLOC_018011	XLOC_018011	ZFP62	chr5:180274610-180288286	0.201044	0.999791
XLOC_000815	XLOC_000815	NHLH1	chr1:160336860-160342638	0.20111	1
XLOC_015133	XLOC_015133	ABHD14A,ACY1	chr3:52009041-52023218	0.201229	0.999791
XLOC_002720	XLOC_002720	NANOS1	chr10:120789227-120793854	0.201242	0.999791
XLOC_006912	XLOC_006912	VIPAS39	chr14:77893017-77923983	0.201325	0.999791
XLOC_008949	XLOC_008949	PIPOX	chr17:27369917-27384236	0.201429	1
XLOC_022718	XLOC_022718	PLGRKT	chr9:5357966-5437937	0.2015	0.999791
XLOC_021670	XLOC_021670	LRRRC69	chr8:92114846-92231464	0.201524	1
XLOC_021864	XLOC_021864	FAM167A	chr8:11197145-11324276	0.201527	0.999791
XLOC_001786	XLOC_001786	HIST2H2BF	chr1:149754244-149783928	0.201641	0.999791
XLOC_021696	XLOC_021696	SPAG1	chr8:101170262-101254132	0.201664	0.999791
XLOC_018772	XLOC_018772	VARS	chr6:31745296-31763712	0.201812	0.999791
XLOC_013850	XLOC_013850	TRMT6	chr20:5918485-5931173	0.201817	0.999791
XLOC_007915	XLOC_007915	CLUAP1	chr16:3550944-3627392	0.201842	0.999791
XLOC_016573	XLOC_016573	PALLD	chr4:169418216-169849608	0.201931	0.999791
XLOC_014670	XLOC_014670	PRODH	chr22:18900286-18924066	0.201959	0.999791
XLOC_011814	XLOC_011814	MAMSTR	chr19:49216254-49222976	0.2024	0.999791
XLOC_011611	XLOC_011611	NFKBID	chr19:36379142-36391552	0.202611	0.999791
XLOC_015983	XLOC_015983	GK5	chr3:141876368-141944449	0.202836	0.999791
XLOC_010634	XLOC_010634	IL27RA	chr19:14142551-14163717	0.202928	0.999791
XLOC_016079	XLOC_016079	DCUN1D1	chr3:182660558-182698326	0.203064	0.999791
XLOC_003738	XLOC_003738	ANKRD42	chr11:82905290-82960013	0.203274	1
XLOC_023695	XLOC_023695	ABCD1	chrX:152990322-153010216	0.203296	0.999791
XLOC_015719	XLOC_015719	AMIGO3	chr3:49726949-49761384	0.203339	0.999791
XLOC_020428	XLOC_020428	FAM188B,INMT	chr7:30791750-30932002	0.203658	0.999791
XLOC_006534	XLOC_006534	WDR25	chr14:100842754-100996640	0.203663	0.999791
XLOC_013966	XLOC_013966	SNORA71A	chr20:37049238-37064018	0.203665	0.999791
XLOC_013793	XLOC_013793	UCKL1-AS1	chr20:62571181-62601223	0.203851	1
XLOC_018875	XLOC_018875	MRPS10	chr6:42174538-42185633	0.203942	0.999791
XLOC_000197	XLOC_000197	PDIK1L	chr1:26437655-26452039	0.204083	0.999791
XLOC_010598	XLOC_010598	ZNF627	chr19:11708234-11729974	0.204126	0.999791
XLOC_001860	XLOC_001860	ILF2	chr1:153631129-153643504	0.204128	0.999791
XLOC_015232	XLOC_015232	LOC100009676	chr3:101368282-101398057	0.204227	0.999791
XLOC_018241	XLOC_018241	PFDN6	chr6:33257373-33258711	0.204233	0.999791
XLOC_002937	XLOC_002937	FLJ31813	chr10:51780941-51827563	0.204386	0.999791
XLOC_003548	XLOC_003548	DAGLA	chr11:614447904-61514474	0.204439	0.999791
XLOC_006637	XLOC_006637	TRAF3	chr14:103243815-103377837	0.204595	0.999791
XLOC_004884	XLOC_004884	HOXC4,HOXC5,HOXC6	chr12:54410641-54449814	0.204788	0.999791
XLOC_012229	XLOC_012229	VAX2	chr2:71127719-71160575	0.205023	1
XLOC_009647	XLOC_009647	GPR179	chr17:36481492-36499693	0.205105	1
XLOC_015398	XLOC_015398	SELT	chr3:150321065-150348234	0.205138	0.999791
XLOC_017994	XLOC_017994	HNRNPH1	chr5:179041178-179050722	0.205148	0.999791
XLOC_004744	XLOC_004744	HTR7P1	chr12:13153375-13157764	0.205299	0.999791
XLOC_017329	XLOC_017329	TXNDC15	chr5:134209459-134237323	0.205664	0.999791
XLOC_005694	XLOC_005694	ANAPC7	chr12:110810704-110841535	0.20584	0.999791
XLOC_011586	XLOC_011586	CEP89	chr19:33369903-33462869	0.205874	0.999791
XLOC_016664	XLOC_016664	ACOX3	chr4:8368008-8442452	0.205892	0.999791
XLOC_005747	XLOC_005747	C12orf43	chr12:121440847-121454300	0.205963	0.999791
XLOC_009007	XLOC_009007	MRM1	chr17:34958024-34965407	0.206001	0.999791
XLOC_003969	XLOC_003969	IGF2,INS,INS-IGF2	chr1:2150341-2182439	0.206042	1
XLOC_003870	XLOC_003870	TMEM136	chr11:120195837-120204388	0.2061	0.999791
XLOC_023793	XLOC_023793	ACOT9	chrX:23721776-23761407	0.206158	0.999791
XLOC_023343	XLOC_023343	ZNF674-AS1	chrX:46404924-46407910	0.206193	0.999791
XLOC_006819	XLOC_006819	GMBF	chr14:54941208-54955744	0.206357	0.999791
XLOC_019198	XLOC_019198	WDR27	chr6:169857302-170102159	0.206393	0.999791
XLOC_017165	XLOC_017165	CDK7	chr5:68530621-68573257	0.206398	0.999791
XLOC_010718	XLOC_010718	ZNF101	chr19:19779662-19791138	0.206498	0.999791
XLOC_006021	XLOC_006021	CRYL1	chr13:20977805-21100012	0.206539	0.999791
XLOC_007748	XLOC_007748	C15orf40	chr15:83654954-83680393	0.206718	0.999791
XLOC_018493	XLOC_018493	L3MBTL3	chr6:130339727-130462594	0.206787	0.999791
XLOC_000471	XLOC_000471	NEXN	chr1:78354199-78409578	0.206826	1
XLOC_020495	XLOC_020495	GBAS	chr7:56032269-56067875	0.207055	0.999791
XLOC_005110	XLOC_005110	PTPN11	chr12:112856535-112947717	0.207134	0.999791
XLOC_008076	XLOC_008076	ARMC5	chr16:31470316-31478488	0.20718	0.999791
XLOC_010770	XLOC_010770	ZNF302	chr19:35168566-35177302	0.207189	0.999791
XLOC_005855	XLOC_005855	RFXAP	chr13:37393338-37403740	0.20737	0.999791
XLOC_004828	XLOC_004828	DNAJC22	chr12:49741040-49745685	0.207537	0.999791
XLOC_002500	XLOC_002500	H2AFY2	chr10:71812356-71892690	0.20758	0.999791
XLOC_011625	XLOC_011625	ZNF529	chr19:37034516-37096178	0.207606	0.999791
XLOC_017713	XLOC_017713	HOMER1	chr5:78669785-78809700	0.207628	0.999791
XLOC_005879	XLOC_005879	KIAA1704	chr13:45563686-45602404	0.207669	0.999791

XLOC_015203	XLOC_015203	NSUN3	chr3:93776765-93845630	0.207792	0.999791
XLOC_021222	XLOC_021222	UFSP1	chr7:100486343-100487339	0.207801	0.999791
XLOC_016732	XLOC_016732	NFXL1	chr4:47849257-47916633	0.207844	0.999791
XLOC_000907	XLOC_000907	SOAT1	chr1:179262848-179327814	0.20815	0.999791
XLOC_009700	XLOC_009700	KRTAP4-8	chr17:39253233-39254375	0.208175	0.999791
XLOC_006131	XLOC_006131	DLEU7	chr13:51286758-51424041	0.208278	1
XLOC_001578	XLOC_001578	JUN	chr1:59246462-59249785	0.208328	0.999791
XLOC_001738	XLOC_001738	ATP1A10S	chr1:116915794-116961244	0.208426	0.999791
XLOC_023717	XLOC_023717	DKC1	chrX:153991030-154005964	0.208444	0.999791
XLOC_024208	XLOC_024208	TMLHE-AS1	chrX:154576449-154603823	0.208624	1
XLOC_014489	XLOC_014489	CCDC117	chr22:29168661-29185283	0.208658	0.999791
XLOC_011949	XLOC_011949	LAIR1	chr19:54865234-54876721	0.208714	1
XLOC_008202	XLOC_008202	NIP7	chr16:69362523-69377013	0.208751	0.999791
XLOC_020330	XLOC_020330	HEATR2	chr7:588833-826116	0.208853	0.999791
XLOC_018801	XLOC_018801	PSMB8	chr6:32808493-32821748	0.208863	0.999791
XLOC_022365	XLOC_022365	ANKRD20A2,ANKRD20A3	chr9:42368302-42411863	0.208891	1
XLOC_005294	XLOC_005294	KLRAP1	chr12:10741076-10752434	0.208899	1
XLOC_012806	XLOC_012806	MATN3	chr2:20191812-20212455	0.208928	1
XLOC_010471	XLOC_010471	THOP1	chr19:2785505-2813599	0.209163	0.999791
XLOC_005759	XLOC_005759	CLIP1	chr12:122755980-122907116	0.209259	0.999791
XLOC_004930	XLOC_004930	IL23A	chr12:56732662-56734194	0.209543	0.999791
XLOC_003378	XLOC_003378	METTL15	chr1:28129797-28355054	0.209606	0.999791
XLOC_009004	XLOC_009004	PIGW	chr17:34891402-34895150	0.209625	0.999791
XLOC_015856	XLOC_015856	IFT57	chr3:107879658-107941417	0.209663	0.999791
XLOC_000992	XLOC_000992	ZBED6	chr1:203764750-203823256	0.209747	1
XLOC_016554	XLOC_016554	TMEM144	chr4:159131400-159176439	0.209763	0.999791
XLOC_003423	XLOC_003423	PRDM11	chr11:45115563-45256675	0.209774	1
XLOC_006963	XLOC_006963	SNHG10	chr14:95999248-96001209	0.209793	0.999791
XLOC_021633	XLOC_021633	RDH10	chr8:74206836-74237520	0.209809	0.999791
XLOC_015740	XLOC_015740	CISH	chr3:50643884-50649262	0.20983	0.999791
XLOC_008360	XLOC_008360	BRICD5	chr16:2255177-2261069	0.209836	0.999791
XLOC_013229	XLOC_013229	METTL8	chr2:172173912-172341562	0.209968	0.999791
XLOC_009605	XLOC_009605	UTP6	chr17:30190189-30228729	0.209998	0.999791
XLOC_012224	XLOC_012224	GMCL1	chr2:70056817-70106727	0.21002	0.999791
XLOC_003767	XLOC_003767	PANX1	chr11:93862093-93915137	0.210131	0.999791
XLOC_016648	XLOC_016648	LYAR	chr4:4269428-4291896	0.210141	0.999791
XLOC_009859	XLOC_009859	TRIM25	chr17:54965269-54991409	0.210157	0.999791
XLOC_001827	XLOC_001827	S100A11	chr1:152004981-152009511	0.210273	0.999791
XLOC_017954	XLOC_017954	LOC100268168	chr5:172381785-172386371	0.210446	0.999791
XLOC_007545	XLOC_007545	PIIP5K1	chr15:43663312-43910998	0.210706	0.999791
XLOC_018981	XLOC_018981	SYNCRIP	chr6:86317501-86353043	0.210903	0.999791
XLOC_007698	XLOC_007698	PTPN9	chr15:75759461-75871625	0.211223	0.999791
XLOC_018756	XLOC_018756	ATP6V1G2,DDX39B	chr6:31496738-31514625	0.211243	0.999791
XLOC_018216	XLOC_018216	STK19	chr6:31937587-31949223	0.211279	0.999791
XLOC_022789	XLOC_022789	NOL6	chr9:33461350-33473941	0.211313	0.999791
XLOC_012822	XLOC_012822	DNAJC27	chr2:25166504-25194963	0.211417	0.999791
XLOC_007679	XLOC_007679	LOXL1-AS1	chr15:74209808-74244478	0.21146	0.999791
XLOC_000299	XLOC_000299	KIAA0754	chr1:39547088-39552810	0.211547	1
XLOC_001351	XLOC_001351	ID3	chr1:23884420-23886285	0.211773	0.999791
XLOC_013427	XLOC_013427	USP40	chr2:234384164-234474236	0.211809	0.999791
XLOC_007655	XLOC_007655	IQCH-AS1	chr15:67493012-67819641	0.211844	0.999791
XLOC_021408	XLOC_021408	PRKAG2	chr7:151253200-151576308	0.211858	0.999791
XLOC_016960	XLOC_016960	SH3D19	chr4:152041432-152149182	0.21186	0.999791
XLOC_020976	XLOC_020976	HOXA3	chr7:27145808-27166639	0.21207	0.999791
XLOC_020675	XLOC_020675	LRWD1	chr7:102105389-102119381	0.212098	0.999791
XLOC_018322	XLOC_018322	TMEM63B	chr6:44095375-44123256	0.212102	0.999791
XLOC_011874	XLOC_011874	C19orf48	chr19:51300960-51307974	0.212135	0.999791
XLOC_010820	XLOC_010820	ZNF420	chr19:37569381-37620651	0.212146	0.999791
XLOC_011666	XLOC_011666	EID2B	chr19:40021629-40023494	0.212182	0.999791
XLOC_014748	XLOC_014748	RHBDD3	chr22:29655843-29663914	0.212184	0.999791
XLOC_014002	XLOC_014002	NEURL2	chr20:44517110-44541003	0.212355	0.999791
XLOC_023635	XLOC_023635	HTATSF1	chrX:135579237-135594503	0.21271	0.999791
XLOC_014405	XLOC_014405	DGCR9	chr22:19005346-19007761	0.212797	1
XLOC_018763	XLOC_018763	GPANK1	chr6:31629005-31637843	0.212815	0.999791
XLOC_000738	XLOC_000738	HAX1	chr1:154245038-154248355	0.212929	0.999791
XLOC_018800	XLOC_018800	TAP2	chr6:32789609-32806547	0.213045	0.999791
XLOC_005125	XLOC_005125	FBXW8	chr12:117348760-117468953	0.213108	0.999791
XLOC_017479	XLOC_017479	NPM1	chr5:170814707-170837888	0.213169	0.999791
XLOC_021005	XLOC_021005	NT5C3	chr7:33053724-33102409	0.213192	0.999791
XLOC_009671	XLOC_009671	NR1D1	chr17:38218445-38256978	0.213202	0.999791
XLOC_016091	XLOC_016091	MAGEF1	chr3:184428154-184429836	0.213301	0.999791
XLOC_014606	XLOC_014606	BIK	chr22:43506753-43525718	0.213354	0.999791
XLOC_004660	XLOC_004660	C12orf5	chr12:4430358-4469190	0.213388	0.999791
XLOC_007566	XLOC_007566	SHC4	chr15:49115933-49255641	0.213425	1
XLOC_012895	XLOC_012895	PREPL	chr2:44502596-44589001	0.213542	0.999791
XLOC_007592	XLOC_007592	RSL24D1	chr15:55473511-55489231	0.213661	0.999791
XLOC_016198	XLOC_016198	EVC	chr4:5712923-5816031	0.213692	0.999791
XLOC_017549	XLOC_017549	BRD9	chr5:863849-892939	0.213701	0.999791
XLOC_015413	XLOC_015413	KCNAB1	chr3:155838336-156256927	0.213954	0.999791

XLOC_013585	XLOC_013585	TPX2	chr20:30326903-30389603	0.214038	0.999791
XLOC_021568	XLOC_021568	GINS4	chr8:41386724-41402565	0.214061	0.999791
XLOC_017234	XLOC_017234	NR2F1	chr5:92919042-93447404	0.214121	0.999791
XLOC_001105	XLOC_001105	SPRNTN	chr1:231473681-231490769	0.214257	0.999791
XLOC_008834	XLOC_008834	KDM6B	chr17:7743234-7758118	0.214287	0.999791
XLOC_007430	XLOC_007430	LRRC28	chr15:99791651-99926498	0.214301	0.999791
XLOC_013316	XLOC_013316	ICA1L	chr2:203637872-203736371	0.214306	0.999791
XLOC_010867	XLOC_010867	LTPB4	chr19:41099071-41135725	0.214333	0.999791
XLOC_020496	XLOC_020496	CCT6A	chr7:56119377-56131682	0.21438	0.999791
XLOC_009973	XLOC_009973	H3F3B	chr17:73772514-73775860	0.214507	0.999791
XLOC_006820	XLOC_006820	GCH1	chr14:55308723-55369542	0.214712	0.999791
XLOC_004033	XLOC_004033	HPX	chr1:6452267-6462254	0.214838	1
XLOC_015747	XLOC_015747	ABHD14B	chr3:52002525-52008646	0.214867	0.999791
XLOC_023852	XLOC_023852	WDR45	chrX:48932091-48958059	0.21514	0.999791
XLOC_005074	XLOC_005074	POLR3B	chr12:106751435-107283094	0.215152	0.999791
XLOC_007956	XLOC_007956	MPV17L	chr16:15489610-15503543	0.21524	1
XLOC_018647	XLOC_018647	ADTRP	chr6:11713887-11779280	0.21536	1
XLOC_021182	XLOC_021182	MGC72080	chr7:97595907-97601638	0.215416	0.999791
XLOC_007498	XLOC_007498	ATPBD4	chr15:35663169-36151202	0.215549	0.999791
XLOC_008362	XLOC_008362	ECI1	chr16:2289872-2301602	0.215754	0.999791
XLOC_023581	XLOC_023581	WDR44	chrX:117480035-117583923	0.21578	0.999791
XLOC_014815	XLOC_014815	C22orf23	chr22:38339056-38365319	0.215977	0.999791
XLOC_004474	XLOC_004474	MRE11A	chr11:94150468-94227040	0.216027	0.999791
XLOC_008033	XLOC_008033	QPRT	chr16:29690440-29709314	0.216056	1
XLOC_008611	XLOC_008611	NAE1	chr16:66836780-66864879	0.216057	0.999791
XLOC_002621	XLOC_002621	FRAT1	chr10:99079021-99081672	0.216182	0.999791
XLOC_006444	XLOC_006444	LIN52	chr14:74551655-74667117	0.216354	0.999791
XLOC_000224	XLOC_000224	SCARNA1	chr1:28157251-28178183	0.216381	1
XLOC_010609	XLOC_010609	ZNF136	chr19:12273871-12300064	0.216469	0.999791
XLOC_000458	XLOC_000458	FPGT,FPGT-TNNI3K,TNNI3K	chr17:4663895-75010116	0.21667	0.999791
XLOC_001421	XLOC_001421	MTMR9LP	chr1:32697260-32707311	0.216782	0.999791
XLOC_013806	XLOC_013806	SRXN1	chr20:627267-634014	0.216822	0.999791
XLOC_007918	XLOC_007918	VASN	chr16:4390251-4466962	0.216863	0.999791
XLOC_001402	XLOC_001402	MECR	chr1:29519384-29557454	0.216882	0.999791
XLOC_015926	XLOC_015926	ZXDC	chr3:126156443-126194762	0.216967	0.999791
XLOC_010861	XLOC_010861	PSMC4	chr19:40476911-40487671	0.217088	0.999791
XLOC_000494	XLOC_000494	LMO4	chr1:87794150-87814607	0.2171	0.999791
XLOC_021288	XLOC_021288	SLC13A1	chr7:122753587-122840025	0.217202	1
XLOC_017490	XLOC_017490	CPEB4	chr5:173315330-173387313	0.217238	0.999791
XLOC_000510	XLOC_000510	SNORD21	chr1:93297593-93427079	0.217242	0.999791
XLOC_006420	XLOC_006420	SRSF5	chr14:70232999-70238722	0.217289	0.999791
XLOC_016086	XLOC_016086	ABCC5	chr3:183637723-183735272	0.217382	0.999791
XLOC_010750	XLOC_010750	DPY19L3	chr19:32896654-32976799	0.217395	0.999791
XLOC_013677	XLOC_013677	PABPC1L	chr20:43538702-43567962	0.217548	0.999791
XLOC_006286	XLOC_006286	THTPA	chr14:23980968-24048009	0.217554	0.999791
XLOC_002865	XLOC_002865	WAC-AS1	chr10:28808845-28821283	0.217642	0.999791
XLOC_006377	XLOC_006377	KIAA0586	chr14:58862643-59015549	0.217898	0.999791
XLOC_015503	XLOC_015503	SNORA4	chr3:186501360-186524484	0.217911	0.999791
XLOC_015027	XLOC_015027	TTC21A	chr3:39149151-39180394	0.21873	1
XLOC_022768	XLOC_022768	CAAP1	chr9:26840682-26892826	0.218792	0.999791
XLOC_009012	XLOC_009012	TADA2A	chr17:35766976-35837226	0.218816	0.999791
XLOC_002312	XLOC_002312	ZMYND11	chr10:180404-300577	0.218916	0.999791
XLOC_012877	XLOC_012877	SRSF7	chr2:38970740-38978636	0.218925	0.999791
XLOC_018248	XLOC_018248	HMG1A	chr6:34204576-34214008	0.218952	0.999791
XLOC_015532	XLOC_015532	SLC51A	chr3:195943382-195960301	0.219136	1
XLOC_006011	XLOC_006011	CHAMP1	chr13:115079964-115092803	0.219207	0.999791
XLOC_005034	XLOC_005034	METAP2	chr12:95867821-95909613	0.219285	0.999791
XLOC_023708	XLOC_023708	SNORA70	chrX:153626570-153650063	0.219349	0.999791
XLOC_021062	XLOC_021062	GRB10	chr7:50657759-50861159	0.219374	0.999791
XLOC_013299	XLOC_013299	SATB2	chr2:200134222-200337481	0.219404	0.999791
XLOC_006766	XLOC_006766	BAZ1A	chr14:35221936-35344853	0.219443	0.999791
XLOC_002745	XLOC_002745	BUB3	chr10:124913759-124924886	0.219506	0.999791
XLOC_004783	XLOC_004783	PPF1B1	chr12:27677044-27848497	0.219528	0.999791
XLOC_012724	XLOC_012724	AGAP1	chr2:236402732-237040444	0.219611	0.999791
XLOC_007238	XLOC_007238	C2CD4A	chr15:62359175-62363116	0.219664	1
XLOC_013463	XLOC_013463	PASK	chr2:242045513-242089394	0.219738	0.999791
XLOC_010825	XLOC_010825	ZNF793	chr19:37997840-38034239	0.219747	1
XLOC_008693	XLOC_008693	GCSH	chr16:81115551-81129980	0.219795	0.999791
XLOC_016050	XLOC_016050	GOLIM4	chr3:167727653-167813417	0.219803	0.999791
XLOC_009364	XLOC_009364	FAM101B	chr17:289770-295731	0.219812	1
XLOC_012961	XLOC_012961	LOC100133985	chr2:70351167-70352448	0.219817	0.999791
XLOC_012255	XLOC_012255	LBX2-AS1	chr2:74724643-74734821	0.21983	0.999791
XLOC_008686	XLOC_008686	ADAT1	chr16:75632246-75657221	0.219931	0.999791
XLOC_015200	XLOC_015200	C3orf38	chr3:88101099-88207115	0.219949	0.999791
XLOC_000133	XLOC_000133	MST1P2	chr1:16972068-16976915	0.220123	0.999791
XLOC_021303	XLOC_021303	RBM28	chr7:127950435-127983962	0.22019	0.999791
XLOC_016938	XLOC_016938	MAML3	chr4:140586921-141075233	0.220198	0.999791
XLOC_000276	XLOC_000276	ZMYM1	chr1:35544971-35581455	0.220288	0.999791
XLOC_001710	XLOC_001710	OVGP1	chr1:11956936-11970399	0.220468	0.999791

XLOC_010184	XLOC_010184	LOC284260	chr18:39766632-40271389	0.220505	1
XLOC_001290	XLOC_001290	AGMAT	chr1:15853351-15911605	0.220541	0.999791
XLOC_006050	XLOC_006050	PAN3-AS1	chr13:28710979-28869475	0.220542	0.999791
XLOC_016621	XLOC_016621	MFS07	chr4:671710-682973	0.220554	1
XLOC_004312	XLOC_004312	ATG2A	chr11:64662003-64684722	0.220569	0.999791
XLOC_002786	XLOC_002786	ID12	chr10:1064846-1095061	0.220603	0.999791
XLOC_015034	XLOC_015034	MYRIP	chr3:39851302-40353915	0.220641	1
XLOC_014652	XLOC_014652	ACR	chr22:51176651-51183727	0.220846	1
XLOC_005614	XLOC_005614	KITLG	chr12:88886569-88974250	0.221013	1
XLOC_022981	XLOC_022981	MRPL50	chr9:104152248-104160919	0.221061	0.999791
XLOC_018181	XLOC_018181	VAR52	chr6:30881981-30894235	0.221132	0.999791
XLOC_022687	XLOC_022687	NDOR1	chr9:140100118-140113813	0.221149	0.999791
XLOC_001045	XLOC_001045	RPS6KC1	chr1:213224587-213446808	0.221191	0.999791
XLOC_001565	XLOC_001565	SSBP3	chr1:54692194-54872092	0.221233	0.999791
XLOC_005394	XLOC_005394	RACGAP1P	chr12:45456400-45459194	0.221342	1
XLOC_001885	XLOC_001885	THBS3	chr1:155165378-155177772	0.221348	0.999791
XLOC_003737	XLOC_003737	PCF11	chr1:82868136-82869835	0.221446	0.999791
XLOC_009180	XLOC_009180	STXBP4	chr17:53046125-53241449	0.221542	1
XLOC_002221	XLOC_002221	JMJD4	chr1:227916239-227968932	0.221599	0.999791
XLOC_007218	XLOC_007218	TMOD2	chr15:52043757-52108558	0.221724	0.999791
XLOC_021579	XLOC_021579	HGSNAT	chr8:42995591-43057970	0.221994	0.999791
XLOC_002762	XLOC_002762	GLRX3	chr10:131934638-131978646	0.222037	0.999791
XLOC_010050	XLOC_010050	NOTUM	chr17:79910382-79919057	0.222044	0.999791
XLOC_005593	XLOC_005593	PHLDA1	chr12:76419226-76425556	0.222146	0.999791
XLOC_011966	XLOC_011966	COX6B2	chr19:55861069-55866182	0.222455	0.999791
XLOC_012928	XLOC_012928	PUS10	chr2:61167547-61279125	0.222458	0.999791
XLOC_022711	XLOC_022711	RFX3	chr9:3224646-3525983	0.222491	0.999791
XLOC_020692	XLOC_020692	DUS4L	chr7:106809405-107218968	0.222548	0.999791
XLOC_013257	XLOC_013257	FKBP7	chr2:179059207-179672150	0.222683	0.999791
XLOC_012702	XLOC_012702	DIS3L2	chr2:232826292-233208678	0.222755	0.999791
XLOC_004071	XLOC_004071	RNF141	chr11:10533224-10562774	0.223126	0.999791
XLOC_016142	XLOC_016142	TC1X1D2, TM4SF19	chr3:196018089-196065291	0.223154	0.999791
XLOC_013789	XLOC_013789	TPD52L2	chr20:62496580-62522898	0.223186	0.999791
XLOC_007772	XLOC_007772	KIF7	chr15:90118817-90198682	0.223331	0.999791
XLOC_011153	XLOC_011153	PRKCG	chr19:54385466-54410901	0.223377	0.999791
XLOC_008006	XLOC_008006	LOC554206	chr16:25043061-25044098	0.223385	0.999791
XLOC_004081	XLOC_004081	LOC100506305	chr11:13001080-13011095	0.223504	1
XLOC_014398	XLOC_014398	BCL2L13	chr22:18121349-18213621	0.223508	0.999791
XLOC_015098	XLOC_015098	P4HTM	chr3:49027340-49044581	0.223616	0.999791
XLOC_022792	XLOC_022792	UBAP2	chr9:33921690-34048947	0.223625	0.999791
XLOC_016283	XLOC_016283	WDR19	chr4:39184023-39287430	0.224024	0.999791
XLOC_003869	XLOC_003869	POU2F3	chr11:120107348-120190653	0.224208	1
XLOC_005302	XLOC_005302	PRH1, PRR4	chr12:10998447-11328619	0.224223	0.999791
XLOC_011278	XLOC_011278	ADAMTSL5	chr19:1505016-1513188	0.224476	0.999791
XLOC_000072	XLOC_000072	NMNAT1	chr1:10003485-10045556	0.224483	0.999791
XLOC_005850	XLOC_005850	RFC3	chr13:34392205-34540695	0.224529	0.999791
XLOC_011667	XLOC_011667	EID2	chr19:40029446-40030838	0.224591	0.999791
XLOC_003930	XLOC_003930	GLB1L2	chr11:134201767-134246218	0.224635	0.999791
XLOC_014454	XLOC_014454	RGL4	chr22:23980674-24059610	0.224669	0.999791
XLOC_021759	XLOC_021759	ZFAT-AS1	chr8:135490030-135725292	0.224709	1
XLOC_001182	XLOC_001182	LOC100133331	chr1:661138-665731	0.22489	0.999791
XLOC_022572	XLOC_022572	STXBP1	chr9:130374485-130454995	0.225023	0.999791
XLOC_003104	XLOC_003104	FBXW4	chr10:103370420-103454743	0.225035	0.999791
XLOC_003061	XLOC_003061	SORBS1	chr10:97071529-97321171	0.225257	1
XLOC_016207	XLOC_016207	TBC1D14	chr4:6911170-7059677	0.225312	0.999791
XLOC_007709	XLOC_007709	TSPAN3	chr15:77336359-77363570	0.225368	0.999791
XLOC_007551	XLOC_007551	SERINC4	chr15:44038589-44094769	0.225464	0.999791
XLOC_013093	XLOC_013093	SEPT10	chr2:110300373-110371783	0.22559	0.999791
XLOC_023831	XLOC_023831	ZNF41	chrX:47305560-47342345	0.225743	1
XLOC_017566	XLOC_017566	MED10	chr5:6372038-6378639	0.226137	0.999791
XLOC_020873	XLOC_020873	ACTR3B	chr7:152456833-152552464	0.226156	0.999791
XLOC_010666	XLOC_010666	TMEM38A	chr19:16771937-16799816	0.226168	0.999791
XLOC_006879	XLOC_006879	MED6	chr14:71050956-71067384	0.226368	0.999791
XLOC_006137	XLOC_006137	LINC00282	chr13:52387482-52419286	0.226508	1
XLOC_021907	XLOC_021907	FLJ14107	chr8:22462144-22526661	0.226525	1
XLOC_005932	XLOC_005932	PIBF1	chr13:73302041-73590591	0.226715	0.999791
XLOC_020542	XLOC_020542	LINC00035	chr7:73149398-73150330	0.226762	0.999791
XLOC_017098	XLOC_017098	TARS	chr5:33440801-33468196	0.226788	0.999791
XLOC_010759	XLOC_010759	CEBPA-AS1	chr19:33793762-33795963	0.226847	0.999791
XLOC_001903	XLOC_001903	MEX3A	chr1:156041803-156051789	0.227076	0.999791
XLOC_017612	XLOC_017612	NADKD1	chr5:36192693-36242258	0.227392	0.999791
XLOC_013758	XLOC_013758	GTPBP5	chr20:60758080-60777810	0.227439	0.999791
XLOC_001736	XLOC_001736	CASQ2	chr1:116242625-116311426	0.227607	1
XLOC_003439	XLOC_003439	C11orf49	chr11:46958250-47198676	0.227763	0.999791
XLOC_002081	XLOC_002081	PDC	chr1:185703682-186446655	0.227631	1
XLOC_020576	XLOC_020576	CCDC146	chr7:76751933-76924521	0.228326	0.999791
XLOC_011469	XLOC_011469	TRMT1	chr19:13215713-13227563	0.228446	0.999791
XLOC_007395	XLOC_007395	WDR93	chr15:90234027-90286869	0.228558	1
XLOC_011364	XLOC_011364	EMR4P	chr19:6952510-6990857	0.228595	1

XLOC_013302	XLOC_013302	KCTD18	chr2:201353683-201374792	0.228805	0.999791
XLOC_012139	XLOC_012139	GPATCH11	chr2:37311593-37323738	0.228918	0.999791
XLOC_020664	XLOC_020664	TRIM56	chr7:100728785-100733889	0.228968	0.999791
XLOC_020749	XLOC_020749	STRIP2	chr7:129074273-129128239	0.229046	0.999791
XLOC_015384	XLOC_015384	C3orf58	chr3:143690639-143711210	0.22909	0.999791
XLOC_016399	XLOC_016399	LOC100505875	chr4:79892901-80229953	0.229161	1
XLOC_015915	XLOC_015915	HEG1	chr3:124684553-124774802	0.229258	0.999791
XLOC_002994	XLOC_002994	TTC18	chr10:75007124-75118617	0.229321	0.999791
XLOC_000560	XLOC_000560	KIAA1324	chr1:109656584-109749403	0.22938	1
XLOC_020404	XLOC_020404	CBX3	chr7:26240830-26253227	0.229519	0.999791
XLOC_008849	XLOC_008849	NDEL1	chr17:8339169-8371495	0.229811	0.999791
XLOC_000361	XLOC_000361	TOE1	chr1:45794913-45956840	0.229845	0.999791
XLOC_021078	XLOC_021078	ZNF479	chr7:57187325-57207571	0.2299	1
XLOC_011996	XLOC_011996	ZNF552	chr19:58318449-58326281	0.230055	0.999791
XLOC_003675	XLOC_003675	TPCN2	chr1:68816349-68858072	0.230119	0.999791
XLOC_023178	XLOC_023178	KIAA1984-AS1	chr9:139690789-139735639	0.230207	0.999791
XLOC_002565	XLOC_002565	LOC439994	chr10:88998423-89103331	0.23064	0.999791
XLOC_001320	XLOC_001320	LOC100506730	chr1:19619740-19622230	0.2309	0.999791
XLOC_017392	XLOC_017392	RNF14	chr5:141346401-141369856	0.231021	0.999791
XLOC_008615	XLOC_008615	B3GNT9	chr16:67143914-67184902	0.231103	0.999791
XLOC_004971	XLOC_004971	HMG2	chr12:66151799-66360071	0.231125	0.999791
XLOC_013862	XLOC_013862	ESF1	chr20:13694968-13765579	0.231158	0.999791
XLOC_008651	XLOC_008651	AARS	chr16:70286296-70323412	0.231261	0.999791
XLOC_016744	XLOC_016744	RPL21P44	chr4:54851665-54853449	0.23129	1
XLOC_019166	XLOC_019166	SNORA20	chr6:160181290-160210735	0.231478	1
XLOC_002281	XLOC_002281	HNRNPU	chr1:245013601-245027827	0.231697	0.999791
XLOC_004876	XLOC_004876	LOC100652999	chr12:53901639-54020199	0.231707	1
XLOC_006796	XLOC_006796	NEMF	chr14:50250531-50319539	0.231752	0.999791
XLOC_014700	XLOC_014700	RIMBP3C	chr22:21899957-21978323	0.231978	1
XLOC_001357	XLOC_001357	SRSF10	chr1:24292936-24306953	0.232336	0.999791
XLOC_003690	XLOC_003690	FAM86C1	chr11:71498556-71524905	0.232371	0.999791
XLOC_012605	XLOC_012605	NRP2	chr2:206547223-206662857	0.232507	0.999791
XLOC_017327	XLOC_017327	DDX46	chr5:134094460-134166812	0.23252	0.999791
XLOC_001722	XLOC_001722	PHTF1	chr1:114239823-114301777	0.2328	0.999791
XLOC_021669	XLOC_021669	OTUD6B	chr8:92082423-92099323	0.232804	0.999791
XLOC_003614	XLOC_003614	MIR612	chr1:165211928-65212028	0.232818	1
XLOC_000930	XLOC_000930	TSEN15	chr1:184020810-184043344	0.232828	0.999791
XLOC_017450	XLOC_017450	UBLCP1	chr5:158690088-158713048	0.233213	0.999791
XLOC_008096	XLOC_008096	HEATR3	chr16:50099880-50139375	0.233246	0.999791
XLOC_015799	XLOC_015799	THOC7	chr3:63805040-63849597	0.233589	0.999791
XLOC_012347	XLOC_012347	TMEM182	chr2:103378489-103434138	0.233609	0.999791
XLOC_010056	XLOC_010056	CCDC57	chr17:80059345-80170689	0.233665	0.999791
XLOC_002857	XLOC_002857	ANKRD26	chr10:27293044-27389427	0.233764	1
XLOC_018677	XLOC_018677	HIST1H2AB	chr6:26033319-26033796	0.233867	0.999791
XLOC_023164	XLOC_023164	CARD9	chr9:139258407-139268133	0.233991	0.999791
XLOC_002853	XLOC_002853	ENKUR	chr10:25270907-25351208	0.234055	1
XLOC_011236	XLOC_011236	ZNF587B	chr19:58341661-58357606	0.234098	0.999791
XLOC_000120	XLOC_000120	DNAJC16	chr1:15853351-15911605	0.234115	0.999791
XLOC_018268	XLOC_018268	SRSF3	chr6:36562089-36572244	0.234256	0.999791
XLOC_000026	XLOC_000026	ATAD3A	chr1:1447522-1470067	0.234278	0.999791
XLOC_022507	XLOC_022507	HSDL2	chr9:115142188-115234685	0.234334	0.999791
XLOC_019128	XLOC_019128	FBXO30	chr6:145946439-146285233	0.234366	0.999791
XLOC_021994	XLOC_021994	LYPLA1	chr8:54958937-55014577	0.234391	0.999791
XLOC_004834	XLOC_004834	BCDIN3D-AS1	chr12:50222325-50236912	0.234496	1
XLOC_022205	XLOC_022205	LOC100288181	chr8:143781528-143808391	0.234739	1
XLOC_009159	XLOC_009159	ITGA3	chr17:48133339-48167849	0.23489	0.999791
XLOC_010743	XLOC_010743	PLEKHF1	chr19:30156326-30166383	0.234926	0.999791
XLOC_023300	XLOC_023300	EIF2S3	chrX:24073064-24096927	0.23509	0.999791
XLOC_000279	XLOC_000279	TFAP2E	chr1:36038970-36060927	0.235305	0.999791
XLOC_009045	XLOC_009045	RAPGEFL1	chr17:38334241-38351906	0.235344	0.999791
XLOC_011623	XLOC_011623	ZNF566	chr19:36936020-36980463	0.235476	0.999791
XLOC_006332	XLOC_006332	PNN	chr14:39644386-39652422	0.235552	0.999791
XLOC_003878	XLOC_003878	CRTAM	chr11:122709254-122743347	0.235875	1
XLOC_020980	XLOC_020980	HOXA7	chr7:27179982-27196296	0.235972	0.999791
XLOC_021993	XLOC_021993	TCEA1	chr8:54879115-54935008	0.235977	0.999791
XLOC_009894	XLOC_009894	INTS2	chr17:59942727-60005377	0.235988	0.999791
XLOC_016364	XLOC_016364	RUFY3	chr4:71570653-71674336	0.236233	0.999791
XLOC_017746	XLOC_017746	GLRX	chr5:95149552-95158577	0.236471	0.999791
XLOC_011820	XLOC_011820	PLEKHA4	chr19:49340353-49371884	0.236489	0.999791
XLOC_000316	XLOC_000316	CTPS1	chr1:41445006-41478235	0.236617	0.999791
XLOC_005878	XLOC_005878	TSC22D1-AS1	chr13:45006278-45154568	0.236696	1
XLOC_017840	XLOC_017840	HSPA9	chr5:137890570-137911318	0.236731	0.999791
XLOC_009996	XLOC_009996	SRSF2	chr17:74730196-74775336	0.236763	0.999791
XLOC_009919	XLOC_009919	SMURF2	chr17:62540734-62658386	0.236812	0.999791
XLOC_023422	XLOC_023422	GNL3L	chrX:54556643-54593720	0.236915	0.999791
XLOC_000513	XLOC_000513	CCDC18	chr1:93646280-93744287	0.237106	0.999791
XLOC_008718	XLOC_008718	SLC7A5	chr16:87863628-87903100	0.23726	0.999791
XLOC_011155	XLOC_011155	CACNG8	chr19:54466289-54493469	0.23726	1
XLOC_013869	XLOC_013869	SNX5	chr20:17922243-17949490	0.237304	0.999791

XLOC_013413	XLOC_013413	NCL	chr2:232319458-232329205	0.237358	0.999791
XLOC_014085	XLOC_014085	ZBTB46	chr20:62371210-62436856	0.237466	0.999791
XLOC_016979	XLOC_016979	PPID	chr4:159630278-159644552	0.237547	0.999791
XLOC_017182	XLOC_017182	PTCD2	chr5:71616199-71655180	0.237633	0.999791
XLOC_009642	XLOC_009642	DDX52	chr17:35972362-36003493	0.237858	0.999791
XLOC_018557	XLOC_018557	MTHFD1L	chr6:151186814-151423023	0.237884	0.999791
XLOC_010665	XLOC_010665	C19orf44	chr19:16607204-16653263	0.237901	0.999791
XLOC_000057	XLOC_000057	ZBTB48	chr1:6640062-6649340	0.237939	0.999791
XLOC_002408	XLOC_002408	ZNF37A	chr10:38383263-38412278	0.237956	0.999791
XLOC_002657	XLOC_002657	LOC100289509	chr10:103578824-103603677	0.237988	0.999791
XLOC_007375	XLOC_007375	SCAND2P	chr15:85174690-85185694	0.23812	0.999791
XLOC_010910	XLOC_010910	ZNF155	chr19:44488321-44502477	0.238134	0.999791
XLOC_012330	XLOC_012330	EIF5B	chr2:99953833-100016728	0.238266	0.999791
XLOC_012197	XLOC_012197	C2orf74	chr2:61372242-61391964	0.23851	1
XLOC_013086	XLOC_013086	RGPD3	chr2:107021135-107084801	0.238526	1
XLOC_010063	XLOC_010063	RAB40B	chr17:80614942-80656598	0.238579	0.999791
XLOC_015535	XLOC_015535	PIGX	chr3:196439244-196462876	0.238651	0.999791
XLOC_022250	XLOC_022250	ZNF251	chr8:145946293-145980970	0.239229	0.999791
XLOC_002704	XLOC_002704	ADRB1	chr10:115803805-115806667	0.23943	1
XLOC_015202	XLOC_015202	ARL13B	chr3:93698982-93774522	0.239491	0.999791
XLOC_001660	XLOC_001660	GCLM	chr1:94352589-94375012	0.239575	0.999791
XLOC_014716	XLOC_014716	ZNF70	chr22:24083771-24093279	0.239667	0.999791
XLOC_021618	XLOC_021618	RRS1	chr8:67341262-67342968	0.239786	0.999791
XLOC_001454	XLOC_001454	LOC728431	chr1:37920479-37940044	0.239811	0.999791
XLOC_003765	XLOC_003765	MED17	chr11:93517404-93546496	0.239959	0.999791
XLOC_008015	XLOC_008015	KIAA0556	chr16:27561467-27791692	0.240071	0.999791
XLOC_006740	XLOC_006740	CIDEB	chr14:24774392-24787242	0.240801	0.999791
XLOC_008407	XLOC_008407	FAM86A	chr16:5121809-5147789	0.240837	0.999791
XLOC_022763	XLOC_022763	CDKN2A	chr9:21967137-21994490	0.240943	0.999791
XLOC_012098	XLOC_012098	CAD	chr2:27440257-27466654	0.240981	0.999791
XLOC_018056	XLOC_018056	HIVEP1	chr6:12012723-12165232	0.241151	1
XLOC_009293	XLOC_009293	GALR2	chr17:74070891-74073573	0.241176	1
XLOC_018667	XLOC_018667	C6orf62	chr6:24667262-24719403	0.241179	0.999791
XLOC_007589	XLOC_007589	FAM214A	chr15:52873517-52970820	0.241225	0.999791
XLOC_008945	XLOC_008945	NEK8	chr17:27055831-27069784	0.241336	0.999791
XLOC_000725	XLOC_000725	PRR9	chr1:153190059-153191793	0.241386	1
XLOC_016102	XLOC_016102	TBCCD1	chr3:186263855-186288332	0.241413	0.999791
XLOC_005495	XLOC_005495	HOTAIR	chr12:54356091-54370203	0.241425	0.999791
XLOC_017477	XLOC_017477	RANBP17	chr5:170288895-170727019	0.241448	0.999791
XLOC_022685	XLOC_022685	GRIN1	chr9:140033608-140064491	0.241492	1
XLOC_005216	XLOC_005216	NINJ2	chr12:673461-772755	0.241579	0.999791
XLOC_018411	XLOC_018411	CASP8AP2	chr6:90539618-90584155	0.241858	0.999791
XLOC_005228	XLOC_005228	EFCAB4B	chr12:3724493-3862366	0.241923	0.999791
XLOC_017140	XLOC_017140	SETD9	chr5:56205086-56247954	0.241939	0.999791
XLOC_012158	XLOC_012158	DYNC2L1	chr2:44001177-44037149	0.242142	0.999791
XLOC_010303	XLOC_010303	ABHD3	chr18:19230857-19284766	0.242161	0.999791
XLOC_017641	XLOC_017641	C5orf34	chr5:43486802-43515273	0.242347	0.999791
XLOC_012509	XLOC_012509	DCAF17	chr2:172173912-172341562	0.242551	0.999791
XLOC_006255	XLOC_006255	PNP	chr14:20937537-20946165	0.242678	0.999791
XLOC_007402	XLOC_007402	ZNF774	chr15:90895476-90904715	0.242723	0.999791
XLOC_002420	XLOC_002420	ZNF485	chr10:44101854-44113352	0.242854	0.999791
XLOC_012629	XLOC_012629	ATIC	chr2:216176678-216214496	0.242913	0.999791
XLOC_012846	XLOC_012846	IFT172	chr2:27665232-27712571	0.242915	0.999791
XLOC_016077	XLOC_016077	DNAJC19	chr3:180701497-180707562	0.242916	0.999791
XLOC_011075	XLOC_011075	LINC00085	chr19:52196592-52208443	0.242996	0.999791
XLOC_011020	XLOC_011020	ALDH16A1	chr19:49956472-49974305	0.243123	0.999791
XLOC_001177	XLOC_001177	PGBD2	chr1:249200441-249213345	0.243131	0.999791
XLOC_023118	XLOC_023118	QRFP	chr9:133768814-133769225	0.243146	0.999791
XLOC_005405	XLOC_005405	ENDOU	chr12:48103517-48119355	0.243227	1
XLOC_013482	XLOC_013482	C20orf202	chr20:1184097-1188918	0.243339	1
XLOC_021628	XLOC_021628	XKR9	chr8:71581599-71648177	0.243379	1
XLOC_002778	XLOC_002778	MTG1	chr10:135207620-135238121	0.243446	0.999791
XLOC_022442	XLOC_022442	FAM120A	chr9:96208781-96328397	0.243462	0.999791
XLOC_003068	XLOC_003068	LL2	chr10:98124362-98273683	0.243516	1
XLOC_023786	XLOC_023786	EIF1AX	chrX:20142635-20159966	0.243547	0.999791
XLOC_006059	XLOC_006059	HMGB1	chr13:31032878-31040081	0.243655	0.999791
XLOC_008685	XLOC_008685	TMEM231	chr16:75572014-75590184	0.243687	0.999791
XLOC_002360	XLOC_002360	VIM	chr10:17270257-17279592	0.243731	0.999791
XLOC_014362	XLOC_014362	TSPEAR	chr21:45917774-46131495	0.244065	1
XLOC_022662	XLOC_022662	PMPCA	chr9:139305115-139318213	0.244084	0.999791
XLOC_006032	XLOC_006032	MIPEP	chr13:24304327-24471125	0.244121	0.999791
XLOC_017761	XLOC_017761	FBXL17	chr5:107194733-107717799	0.244248	0.999791
XLOC_008394	XLOC_008394	TFAP4	chr16:4307186-4323001	0.24433	0.999791
XLOC_020674	XLOC_020674	ORAI2	chr7:102073976-102105321	0.244344	0.999791
XLOC_008093	XLOC_008093	LOC100507577	chr16:48274602-48420559	0.244361	0.999791
XLOC_013861	XLOC_013861	TASP1	chr20:13370035-13619583	0.244578	0.999791
XLOC_021494	XLOC_021494	NPM2	chr8:21882353-21894408	0.244693	0.999791
XLOC_021253	XLOC_021253	ATXN7L1	chr7:105245220-105517031	0.244734	0.999791
XLOC_004372	XLOC_004372	CPT1A	chr11:68522087-68609399	0.244829	0.999791

XLOC_000590	XLOC_000590	C1orf162	chr1:112016603-112021134	0.244974	0.999791
XLOC_011251	XLOC_011251	ZNF446	chr19:58987794-58992597	0.245173	0.999791
XLOC_002564	XLOC_002564	FAM22A	chr10:88985204-88994733	0.245518	0.999791
XLOC_007594	XLOC_007594	CCPG1,DYX1C1	chr15:55611132-55800432	0.245537	0.999791
XLOC_000333	XLOC_000333	MPL	chr1:43803474-43820135	0.245548	1
XLOC_004883	XLOC_004883	HOXC8	chr12:54402889-54406545	0.245576	0.999791
XLOC_006893	XLOC_006893	LTBP2	chr14:74964885-75079034	0.245628	0.999791
XLOC_008387	XLOC_008387	NLR3	chr16:3550944-3627392	0.245879	1
XLOC_012680	XLOC_012680	RHBDD1	chr2:227700670-227863923	0.246139	0.999791
XLOC_022224	XLOC_022224	FAM83H	chr8:144806102-144815914	0.246207	0.999791
XLOC_010600	XLOC_010600	ZNF441	chr19:11877814-11894893	0.246253	0.999791
XLOC_008998	XLOC_008998	TAF15	chr17:34136458-34174246	0.246895	0.999791
XLOC_011922	XLOC_011922	ZNF320	chr19:53379424-53394599	0.246907	0.999791
XLOC_011782	XLOC_011782	DACT3	chr19:47150868-47220384	0.247003	0.999791
XLOC_018700	XLOC_018700	HIST1H2AJ	chr6:27782079-27782518	0.247111	0.999791
XLOC_000401	XLOC_000401	CPT2	chr1:53662100-53686289	0.247255	0.999791
XLOC_000330	XLOC_000330	WDR65	chr1:43629844-43720029	0.247354	1
XLOC_010468	XLOC_010468	SPPL2B	chr19:2328628-2355100	0.247459	0.999791
XLOC_008818	XLOC_008818	FGF11	chr17:7342688-7348251	0.247501	0.999791
XLOC_011757	XLOC_011757	GPR4	chr19:46093022-46105466	0.247557	1
XLOC_022688	XLOC_022688	C9orf169	chr9:140119643-140120763	0.247566	0.999791
XLOC_009246	XLOC_009246	KPNA2	chr17:66031847-66042970	0.247748	0.999791
XLOC_014852	XLOC_014852	DES1	chr22:41994031-42017061	0.248291	0.999791
XLOC_000610	XLOC_000610	SLC22A15	chr1:116519118-116612675	0.248309	0.999791
XLOC_021238	XLOC_021238	FBXL13	chr7:102453307-102715288	0.24882	1
XLOC_021786	XLOC_021786	LOC100128338	chr8:144816309-144828507	0.248895	0.999791
XLOC_001054	XLOC_001054	RRP15	chr1:218458628-218511325	0.249044	0.999791
XLOC_024009	XLOC_024009	TSC22D3	chrX:106956451-107019017	0.249069	0.999791
XLOC_018229	XLOC_018229	PSMB9	chr6:32821937-32827628	0.249139	0.999791
XLOC_015525	XLOC_015525	TMEM44-AS1	chr3:194304996-194354150	0.249347	0.999791
XLOC_001465	XLOC_001465	SF3A3	chr1:38422651-38455761	0.24944	0.999791
XLOC_022128	XLOC_022128	KLF10	chr8:103661004-103667983	0.24972	0.999791
XLOC_002284	XLOC_002284	TFB2M	chr1:246703862-246729565	0.249737	0.999791
XLOC_012042	XLOC_012042	CPSF3	chr2:9563665-9613239	0.249738	0.999791
XLOC_014018	XLOC_014018	ZNFX1	chr20:47862438-47905795	0.249849	0.999791
XLOC_000577	XLOC_000577	UBL4B	chr1:110655061-110656569	0.249975	1
XLOC_006464	XLOC_006464	KIAA1737	chr14:77564577-77583630	0.250097	0.999791
XLOC_013931	XLOC_013931	EIF2S2	chr20:32676114-32700085	0.250045	0.999791
XLOC_012804	XLOC_012804	TTC32	chr2:20096513-20101744	0.250573	0.999791
XLOC_013582	XLOC_013582	ID1	chr20:30193085-30194317	0.250609	0.999791
XLOC_007519	XLOC_007519	INO80	chr15:41271078-41408340	0.250639	0.999791
XLOC_020747	XLOC_020747	SMO	chr7:128828712-128853385	0.250643	1
XLOC_021619	XLOC_021619	ADHFE1	chr8:67344717-67381044	0.250802	0.999791
XLOC_007547	XLOC_007547	CATSPER2	chr15:43922771-43941039	0.250846	0.999791
XLOC_016884	XLOC_016884	LEF1	chr4:108968700-109097586	0.250973	0.999791
XLOC_009337	XLOC_009337	FSCN2	chr17:79495416-79504156	0.250999	1
XLOC_008820	XLOC_008820	SLC35G6	chr17:7362684-7387568	0.251028	1
XLOC_017054	XLOC_017054	AHRR,PDCD6	chr5:271735-438405	0.251082	0.999791
XLOC_024006	XLOC_024006	MORC4	chrX:106183963-106243474	0.251245	0.999791
XLOC_014014	XLOC_014014	ZMYND8	chr20:45838380-45985474	0.251271	0.999791
XLOC_001498	XLOC_001498	EBNA1BP2	chr1:43629844-43720029	0.251316	0.999791
XLOC_007718	XLOC_007718	WDR61	chr15:78575577-78591940	0.251554	0.999791
XLOC_010382	XLOC_010382	ATP8B1	chr18:55297533-55470327	0.251787	1
XLOC_009502	XLOC_009502	SCO1	chr17:10583648-10600885	0.252012	0.999791
XLOC_013984	XLOC_013984	STK4-AS1	chr20:43592439-43595099	0.252201	1
XLOC_016428	XLOC_016428	TIGD2	chr4:90033967-90036052	0.252504	0.999791
XLOC_022262	XLOC_022262	DMRT2	chr9:1050345-1057554	0.252682	0.999791
XLOC_009864	XLOC_009864	SRSF1	chr17:56078279-56084707	0.252694	0.999791
XLOC_000356	XLOC_000356	PLK3	chr1:45266035-45272957	0.252721	0.999791
XLOC_003119	XLOC_003119	PCGF6	chr10:105062552-105110891	0.252762	0.999791
XLOC_008526	XLOC_008526	C16orf93	chr16:30759619-30787628	0.252791	0.999791
XLOC_010065	XLOC_010065	B3GNTL1	chr17:80901666-81009686	0.252815	0.999791
XLOC_023369	XLOC_023369	RBM3	chrX:48432740-48439553	0.252862	0.999791
XLOC_010466	XLOC_010466	AMH	chr19:2249112-2252072	0.253136	1
XLOC_013672	XLOC_013672	TTPAL	chr20:43104525-43123244	0.253247	0.999791
XLOC_015331	XLOC_015331	LOC100507032	chr3:129612713-129627755	0.25334	0.999791
XLOC_005170	XLOC_005170	TMED2	chr12:124069075-124082688	0.253351	0.999791
XLOC_022666	XLOC_022666	FAM69B	chr9:139607023-139622636	0.253465	0.999791
XLOC_023485	XLOC_023485	PBDC1	chrX:75392770-75398033	0.253477	0.999791
XLOC_012502	XLOC_012502	SSB	chr2:170655321-170681353	0.253487	0.999791
XLOC_009098	XLOC_009098	FAM215A	chr17:41994575-41995355	0.253525	1
XLOC_020902	XLOC_020902	MAD1L1	chr7:1855427-2272583	0.253658	0.999791
XLOC_017189	XLOC_017189	UTP15	chr5:72861597-72877794	0.253676	0.999791
XLOC_009469	XLOC_009469	KCNAB3	chr17:7825176-7832753	0.253892	0.999791
XLOC_001602	XLOC_001602	LRRC40	chr1:70610484-70671361	0.253895	0.999791
XLOC_022306	XLOC_022306	IFT74	chr9:26903367-27062931	0.253958	0.999791
XLOC_005304	XLOC_005304	TAS2R14	chr12:10998447-11328619	0.254017	1
XLOC_000929	XLOC_000929	RGL1	chr1:183605207-183897666	0.254075	0.999791
XLOC_001014	XLOC_001014	PKF2B2	chr1:207226619-207254388	0.254079	0.999791

XLOC_023965	XLOC_023965	SATL1	chrX:84258897-84363974	0.254154	0.999791
XLOC_007484	XLOC_007484	AVEN	chr15:34158427-34357287	0.254243	0.999791
XLOC_009875	XLOC_009875	C17orf47	chr17:56618947-56621733	0.25426	1
XLOC_003028	XLOC_003028	MMRN2	chr10:88695297-88717425	0.254572	1
XLOC_002874	XLOC_002874	ZEB1-AS1	chr10:31605456-31608024	0.25462	0.999791
XLOC_014943	XLOC_014943	VHL	chr3:10183318-10195354	0.254663	0.999791
XLOC_015909	XLOC_015909	PTPLB	chr3:123213362-123303924	0.254676	0.999791
XLOC_001472	XLOC_001472	PIPEL	chr1:39957317-40025370	0.254963	1
XLOC_009876	XLOC_009876	TEX14	chr17:56634037-56769416	0.254967	1
XLOC_007588	XLOC_007588	ARPP19	chr15:52839431-52861213	0.255131	0.999791
XLOC_015298	XLOC_015298	PDIA5	chr3:122785855-122880953	0.255406	0.999791
XLOC_009916	XLOC_009916	DDX5	chr17:62494373-62502484	0.255499	0.999791
XLOC_011804	XLOC_011804	CARD8	chr19:48711342-48761450	0.255756	0.999791
XLOC_006279	XLOC_006279	REM2	chr14:23352431-23356889	0.255805	0.999791
XLOC_007413	XLOC_007413	SLCO3A1	chr15:92396937-92715665	0.256016	0.999791
XLOC_000501	XLOC_000501	ZNF326	chr1:90460677-90494094	0.256058	0.999791
XLOC_004352	XLOC_004352	CLCF1	chr11:67085309-67159158	0.256062	0.999791
XLOC_004958	XLOC_004958	USP15	chr12:62654120-62803501	0.256091	0.999791
XLOC_010494	XLOC_010494	ANKRD24	chr19:4183350-4224811	0.256316	1
XLOC_003676	XLOC_003676	MYEOV	chr11:69061621-69064754	0.256332	0.999791
XLOC_017977	XLOC_017977	DBN1	chr5:176883613-176900694	0.256577	0.999791
XLOC_010832	XLOC_010832	CATSPERG	chr19:38826442-38861589	0.256615	1
XLOC_004259	XLOC_004259	AHNAK	chr11:62201013-62314332	0.256636	0.999791
XLOC_024109	XLOC_024109	MAP7D3	chrX:135295378-135338641	0.256928	0.999791
XLOC_007983	XLOC_007983	METTL9	chr16:21610855-21668792	0.256988	0.999791
XLOC_002836	XLOC_002836	TRDMT1	chr10:17184981-17244070	0.25703	0.999791
XLOC_010762	XLOC_010762	KCTD15	chr19:34287750-34306666	0.257501	0.999791
XLOC_015929	XLOC_015929	TXNRD3, TXNRD3NB	chr3:126290621-126373967	0.257541	0.999791
XLOC_012536	XLOC_012536	RBM45	chr2:178977181-178994382	0.257585	0.999791
XLOC_001520	XLOC_001520	IPP	chr1:46153846-46216485	0.257831	0.999791
XLOC_012367	XLOC_012367	SOWAHC	chr2:110371910-110376564	0.25791	0.999791
XLOC_021675	XLOC_021675	TMEM67	chr8:94767071-94831460	0.258073	0.999791
XLOC_018300	XLOC_018300	RPL7L1	chr6:42847670-42854731	0.258395	0.999791
XLOC_013714	XLOC_013714	SNAI1	chr20:48599512-48605420	0.258489	0.999791
XLOC_001470	XLOC_001470	GJA9, MYCBP	chr1:39328161-39347298	0.258505	0.999791
XLOC_017704	XLOC_017704	ZBED3	chr5:76372531-76444176	0.258654	0.999791
XLOC_016183	XLOC_016183	NOP14-AS1	chr4:2937277-2965118	0.258784	0.999791
XLOC_016623	XLOC_016623	CPLX1	chr4:778744-819945	0.258912	0.999791
XLOC_009116	XLOC_009116	FMNL1	chr17:43299291-43324683	0.259145	1
XLOC_005618	XLOC_005618	ATP2B1	chr12:89981825-90049844	0.259176	0.999791
XLOC_002084	XLOC_002084	UCHL5	chr11:192981495-193060906	0.259328	0.999791
XLOC_018028	XLOC_018028	RIPK1	chr6:3077057-3115421	0.259356	0.999791
XLOC_002535	XLOC_002535	ZMIZ1	chr10:80828791-81076285	0.259667	0.999791
XLOC_020362	XLOC_020362	RAC1	chr7:6414125-6443598	0.259714	0.999791
XLOC_004699	XLOC_004699	PEX5	chr12:7341758-7371169	0.259922	0.999791
XLOC_013717	XLOC_013717	PTPN1	chr20:49126890-49201086	0.259931	0.999791
XLOC_021960	XLOC_021960	STAR	chr8:38000217-38008600	0.259993	1
XLOC_001507	XLOC_001507	BEST4	chr1:45249256-45253426	0.260051	1
XLOC_021727	XLOC_021727	NOV	chr8:120428551-120436678	0.260113	0.999791
XLOC_003047	XLOC_003047	NUDT9P1	chr10:92911760-92912837	0.26048	1
XLOC_006633	XLOC_006633	ZNF839	chr14:102783713-102809511	0.260535	0.999791
XLOC_000632	XLOC_000632	NBPF9	chr1:144614958-144828810	0.260542	0.999791
XLOC_003389	XLOC_003389	DEPDC7	chr11:33037409-33055128	0.260887	0.999791
XLOC_015956	XLOC_015956	ACAD11, NPHP3	chr3:132276981-132593050	0.260992	0.999791
XLOC_014714	XLOC_014714	C22orf43	chr22:23950638-23974508	0.261287	1
XLOC_016316	XLOC_016316	FIP1L1	chr4:54243819-54326103	0.261441	0.999791
XLOC_020340	XLOC_020340	ELFN1	chr7:1748797-1787590	0.261532	0.999791
XLOC_014260	XLOC_014260	RWDD2B	chr21:30378079-30391685	0.261554	0.999791
XLOC_002834	XLOC_002834	RSU1	chr10:16632616-16859453	0.261624	0.999791
XLOC_013085	XLOC_013085	UXS1	chr2:106709758-106810795	0.261671	0.999791
XLOC_000360	XLOC_000360	HPDL	chr1:45792544-45794346	0.261853	0.999791
XLOC_008268	XLOC_008268	LINC00311	chr16:85316563-85321685	0.262213	1
XLOC_018410	XLOC_018410	ANKRD6	chr6:90142896-90348474	0.26233	1
XLOC_013348	XLOC_013348	FN1	chr2:216225178-216300791	0.262345	1
XLOC_022761	XLOC_022761	IFNE	chr9:21454266-21559697	0.26239	1
XLOC_004882	XLOC_004882	HOXC9	chr12:54393876-54397120	0.262565	0.999791
XLOC_020921	XLOC_020921	PMS2	chr7:6012869-6048737	0.263063	0.999791
XLOC_023379	XLOC_023379	MAGIX	chrX:49019180-49023836	0.263168	0.999791
XLOC_012698	XLOC_012698	B3GNT7	chr2:232260334-232265875	0.26333	1
XLOC_012863	XLOC_012863	FAM98A	chr2:33808728-33824362	0.263468	0.999791
XLOC_015625	XLOC_015625	SUSD5	chr3:33191536-33260707	0.26353	1
XLOC_013661	XLOC_013661	SRSF6	chr20:42086503-42092244	0.26364	0.999791
XLOC_017779	XLOC_017779	DTWD2	chr5:118172568-118324240	0.263731	0.999791
XLOC_022713	XLOC_022713	SPATA6L	chr9:4598315-4666674	0.263916	0.999791
XLOC_002234	XLOC_002234	ABCB10	chr1:229652328-229694442	0.264005	0.999791
XLOC_022644	XLOC_022644	LINC00094	chr9:136890560-136933141	0.264076	0.999791
XLOC_007740	XLOC_007740	AGSK1, LOC727849	chr15:83130032-83182930	0.264088	1
XLOC_002845	XLOC_002845	SKIDA1	chr10:21802408-21814611	0.264222	1
XLOC_011741	XLOC_011741	ZNF285	chr19:44889807-44905777	0.264314	1

XLOC_012044	XLOC_012044	TAF1B	chr2:9983570-10074545	0.264335	0.999791
XLOC_011873	XLOC_011873	SHANK1	chr19:51165083-51220195	0.264537	0.999791
XLOC_005689	XLOC_005689	FAM222A-AS1	chr12:110152186-110211292	0.264573	0.999791
XLOC_008892	XLOC_008892	MYO15A	chr17:18012019-18083116	0.264641	1
XLOC_009980	XLOC_009980	FBF1	chr17:73906617-73937119	0.264698	0.999791
XLOC_014139	XLOC_014139	C21orf119	chr21:33765441-33766266	0.264716	0.999791
XLOC_006023	XLOC_006023	N6AMT2	chr13:21303072-21348057	0.264806	0.999791
XLOC_017328	XLOC_017328	C5orf24	chr5:134181369-134195425	0.264832	0.999791
XLOC_006697	XLOC_006697	SUPT16H	chr14:21819630-21852425	0.264974	0.999791
XLOC_000344	XLOC_000344	CCDC24	chr1:44457279-44497164	0.265147	0.999791
XLOC_009090	XLOC_009090	NBR2	chr17:41277599-41297125	0.265237	0.999791
XLOC_007967	XLOC_007967	ITPR1PL2	chr16:19125253-19132952	0.265297	0.999791
XLOC_007614	XLOC_007614	VPS13C	chr15:62144589-62352664	0.265361	0.999791
XLOC_020527	XLOC_020527	AUTS2	chr7:69063904-70257885	0.265582	0.999791
XLOC_016018	XLOC_016018	DHX36	chr3:153993456-154042286	0.265589	0.999791
XLOC_020394	XLOC_020394	NUPL2	chr7:23221445-23240630	0.265598	0.999791
XLOC_019049	XLOC_019049	COL10A1	chr6:116421998-116566853	0.265699	1
XLOC_011233	XLOC_011233	ZNF551	chr19:58193336-58201169	0.265856	0.999791
XLOC_004864	XLOC_004864	IGFBP6	chr12:53491435-53496128	0.265934	0.999791
XLOC_000965	XLOC_000965	RPS10P7	chr1:201489031-201489720	0.265942	0.999791
XLOC_014770	XLOC_014770	DUSP18	chr22:31058038-31063872	0.266224	1
XLOC_023513	XLOC_023513	CSTF2	chrX:100075347-100095923	0.266259	0.999791
XLOC_014184	XLOC_014184	MX1	chr21:42792519-42831141	0.266296	0.999791
XLOC_022728	XLOC_022728	ZDHHC21	chr9:14611068-14693480	0.266313	0.999791
XLOC_001244	XLOC_001244	KLHL21	chr1:6650783-6662929	0.266366	0.999791
XLOC_001567	XLOC_001567	PARS2	chr1:55222570-55230226	0.266406	0.999791
XLOC_003042	XLOC_003042	PANK1	chr10:91339253-91405329	0.266531	1
XLOC_010504	XLOC_010504	LOC100131094	chr19:4675243-4723855	0.266642	1
XLOC_012647	XLOC_012647	PLCD4	chr2:219472487-219501909	0.267023	0.999791
XLOC_014306	XLOC_014306	GART	chr21:34876237-34915198	0.267066	0.999791
XLOC_013106	XLOC_013106	ZC3H8	chr2:112973438-113012664	0.267141	0.999791
XLOC_015791	XLOC_015791	FAM107A	chr3:58549844-58563491	0.267224	1
XLOC_010214	XLOC_010214	LOC100505549	chr18:55297533-55470327	0.26748	0.999791
XLOC_018171	XLOC_018171	PRR3	chr6:30509154-30532473	0.267544	0.999791
XLOC_012070	XLOC_012070	KLHL29	chr2:23608297-23931483	0.267913	0.999791
XLOC_017553	XLOC_017553	TERT	chr5:1253286-1295162	0.267978	0.999791
XLOC_018832	XLOC_018832	FKBP5	chr6:35541361-35704724	0.268047	0.999791
XLOC_000924	XLOC_000924	NPL	chr1:182758583-182799519	0.268113	0.999791
XLOC_010412	XLOC_010412	ZADH2	chr18:72909277-72921281	0.268284	0.999791
XLOC_021622	XLOC_021622	MCMDC2	chr8:67782983-67837777	0.268329	1
XLOC_006042	XLOC_006042	RNF6	chr13:26786904-26796508	0.268349	0.999791
XLOC_011812	XLOC_011812	CA11	chr19:49141271-49185502	0.26843	0.999791
XLOC_017839	XLOC_017839	ETF1	chr5:137841781-137878989	0.268476	0.999791
XLOC_016658	XLOC_016658	CCDC96	chr4:6911170-7059677	0.268664	0.999791
XLOC_008742	XLOC_008742	C17orf97	chr17:260117-264457	0.268733	0.999791
XLOC_023290	XLOC_023290	MBTPS2	chrX:21857655-21903541	0.268906	0.999791
XLOC_023324	XLOC_023324	LANCL3	chrX:37430821-37536750	0.268912	1
XLOC_003301	XLOC_003301	DNHD1	chr11:6518525-6593254	0.269309	0.999791
XLOC_015235	XLOC_015235	NFKBIZ,NXPE3	chr3:101498028-101579869	0.269502	0.999791
XLOC_001399	XLOC_001399	TAF12	chr1:28929608-28969604	0.269682	0.999791
XLOC_004985	XLOC_004985	CCT2	chr12:69979207-69995357	0.269746	0.999791
XLOC_013040	XLOC_013040	ZNF514	chr2:95813399-95825263	0.269891	0.999791
XLOC_013514	XLOC_013514	PRNP	chr20:4666796-4682234	0.270097	0.999791
XLOC_023608	XLOC_023608	UTP14A	chrX:129040096-129063738	0.270104	0.999791
XLOC_009111	XLOC_009111	CCDC103	chr17:42977079-42981047	0.270239	0.999791
XLOC_010153	XLOC_010153	IMPACT	chr18:22006608-22033494	0.27029	0.999791
XLOC_017592	XLOC_017592	CDH12	chr5:21750972-22853731	0.270445	1
XLOC_022170	XLOC_022170	LOC100130231	chr8:126934766-126963441	0.270445	1
XLOC_015277	XLOC_015277	TIMMDC1	chr3:119217367-119243125	0.270582	0.999791
XLOC_008072	XLOC_008072	TRIM72	chr16:31225341-31236510	0.270621	0.999791
XLOC_006303	XLOC_006303	LTB4R,LTB4R2	chr14:24774392-24787242	0.270753	0.999791
XLOC_002922	XLOC_002922	LOC399753	chr10:49218158-49239658	0.270883	1
XLOC_000327	XLOC_000327	ZNF691	chr1:43312243-43318146	0.270995	0.999791
XLOC_014882	XLOC_014882	LOC100506714	chr22:45529638-45559662	0.271248	0.999791
XLOC_003887	XLOC_003887	VWA5A	chr11:123986110-124017618	0.271249	0.999791
XLOC_019096	XLOC_019096	HBS1L	chr6:135281516-135376036	0.271433	0.999791
XLOC_002385	XLOC_002385	THNSL1	chr10:25270907-25351208	0.271441	0.999791
XLOC_000626	XLOC_000626	PHGDH	chr1:120254418-120286849	0.271891	0.999791
XLOC_017069	XLOC_017069	SRD5A1	chr5:6633499-6669675	0.271957	0.999791
XLOC_010842	XLOC_010842	PAPL	chr19:39574944-39602128	0.272295	0.999791
XLOC_021515	XLOC_021515	SLC25A37	chr8:23386362-23430063	0.272325	0.999791
XLOC_001374	XLOC_001374	UBXN11	chr1:26608772-26647014	0.272329	0.999791
XLOC_014375	XLOC_014375	C21orf67	chr21:46353198-46359828	0.272567	0.999791
XLOC_016892	XLOC_016892	ELOVL6	chr4:110970228-111119820	0.272775	0.999791
XLOC_007508	XLOC_007508	C15orf56	chr15:40453209-40569688	0.272841	0.999791
XLOC_004747	XLOC_004747	ATF7IP	chr12:14518610-14651697	0.272852	0.999791
XLOC_004617	XLOC_004617	SRPR	chr11:126081618-126138877	0.272928	0.999791
XLOC_003088	XLOC_003088	DNMBP	chr10:101635333-101769676	0.272995	0.999791
XLOC_002682	XLOC_002682	GSTO1	chr10:106013951-106027222	0.27312	0.999791

XLOC_011406	XLOC_011406	ZNF846	chr19:9868150-9879410	0.273363	1
XLOC_009332	XLOC_009332	BAIAP2	chr17:79008946-79156964	0.273693	0.999791
XLOC_003161	XLOC_003161	SFXN4	chr10:120900424-120925204	0.274342	0.999791
XLOC_001243	XLOC_001243	NOL9	chr1:6581406-6614658	0.274565	0.999791
XLOC_010400	XLOC_010400	DSEL	chr18:65173818-65566856	0.274711	1
XLOC_000687	XLOC_000687	MLLT11	chr1:151032150-151040973	0.274804	0.999791
XLOC_012365	XLOC_012365	CCDC138	chr2:109403218-109492847	0.275042	0.999791
XLOC_008115	XLOC_008115	OGFOD1	chr16:56485423-56511407	0.275094	0.999791
XLOC_014753	XLOC_014753	THOC5	chr22:29904155-29949736	0.275127	0.999791
XLOC_001034	XLOC_001034	LINC00467	chr1:211556096-211605877	0.275323	0.999791
XLOC_003224	XLOC_003224	LRRC56	chr1:1537521-560779	0.275392	0.999791
XLOC_023974	XLOC_023974	NOX1	chrX:100098312-100129334	0.27555	1
XLOC_021637	XLOC_021637	GDAP1	chr8:75262617-75279335	0.275773	0.999791
XLOC_004775	XLOC_004775	LYRM5	chr12:25348149-25357949	0.275805	0.999791
XLOC_008546	XLOC_008546	SLC6A10P	chr16:32888796-32896463	0.275874	1
XLOC_008520	XLOC_008520	ZNF747	chr16:30542778-30546194	0.275882	0.999791
XLOC_022902	XLOC_022902	C9orf64	chr9:86553226-86571663	0.27589	0.999791
XLOC_012441	XLOC_012441	CCDC74A	chr2:132202795-132360468	0.276091	0.999791
XLOC_002717	XLOC_002717	SLC18A2	chr10:119000583-119038941	0.27617	0.999791
XLOC_007602	XLOC_007602	LOC145783	chr15:57178367-57210697	0.276376	1
XLOC_001872	XLOC_001872	SHE	chr1:154451953-154474526	0.2764	1
XLOC_010930	XLOC_010930	APOE	chr19:45409038-45412650	0.276403	0.999791
XLOC_004604	XLOC_004604	SIAE	chr11:124492741-124564687	0.276599	0.999791
XLOC_001571	XLOC_001571	PPAP2B	chr1:56960418-57045257	0.276758	0.999791
XLOC_012079	XLOC_012079	EFR3B	chr2:25264972-25382004	0.276891	1
XLOC_009793	XLOC_009793	LRRC37A4P	chr17:43583248-43597889	0.277003	0.999791
XLOC_002355	XLOC_002355	SUV39H2	chr10:14920781-14946304	0.27707	0.999791
XLOC_004250	XLOC_004250	SYT7	chr11:61281187-61348344	0.277162	0.999791
XLOC_013765	XLOC_013765	NTSR1	chr20:61340188-61394123	0.277246	0.999791
XLOC_016734	XLOC_016734	TXK	chr4:48068409-48136273	0.27741	1
XLOC_022584	XLOC_022584	COQ4	chr9:131084790-131096351	0.277512	0.993188
XLOC_023674	XLOC_023674	VMA21	chrX:150565656-150577836	0.277512	0.999791
XLOC_023930	XLOC_023930	CITED1	chrX:71521487-71527037	0.277594	0.999791
XLOC_009424	XLOC_009424	CAMTA2	chr17:4871286-4890960	0.277717	0.999791
XLOC_005038	XLOC_005038	ELK3	chr12:96588206-96661606	0.277746	0.999791
XLOC_023047	XLOC_023047	STOM	chr9:124101265-124132582	0.277801	1
XLOC_021096	XLOC_021096	SPDYE7P	chr7:72333317-72339655	0.277943	0.999791
XLOC_001411	XLOC_001411	NKAIN1	chr1:31652591-31712734	0.277966	0.999791
XLOC_012405	XLOC_012405	TMEM37	chr2:120189445-120196096	0.278035	1
XLOC_022099	XLOC_022099	CNCE2	chr8:95835517-95907482	0.278137	0.999791
XLOC_021323	XLOC_021323	PODXL	chr7:131185020-131241376	0.278456	0.999791
XLOC_000804	XLOC_000804	DUSP23	chr1:159750758-159752333	0.278754	0.999791
XLOC_013252	XLOC_013252	LOC100130691	chr2:178148235-178257419	0.278915	1
XLOC_000422	XLOC_000422	NFIA	chr1:61542945-61928460	0.278944	0.999791
XLOC_014295	XLOC_014295	URB1	chr21:33664123-33765312	0.279029	0.999791
XLOC_001766	XLOC_001766	GNRHR2	chr1:145507556-145516076	0.279041	0.999791
XLOC_004516	XLOC_004516	EXPH5	chr1:108376157-108464374	0.279111	1
XLOC_020889	XLOC_020889	WDR60	chr7:158649268-158738883	0.27914	0.999791
XLOC_001180	XLOC_001180	LOC729737	chr1:134772-140566	0.279355	1
XLOC_004101	XLOC_004101	HPS5	chr11:18300216-18343721	0.279427	0.999791
XLOC_021540	XLOC_021540	UBXN8	chr8:30601689-30624520	0.279446	0.999791
XLOC_023119	XLOC_023119	FIBCD1	chr9:133777824-133814455	0.279461	0.999791
XLOC_016405	XLOC_016405	BMP3	chr4:81952118-81978685	0.279702	1
XLOC_010640	XLOC_010640	CLEC17A	chr19:14693895-14721956	0.279992	1
XLOC_014806	XLOC_014806	C1QTNF6	chr22:37576205-37584330	0.280026	0.999791
XLOC_000461	XLOC_000461	ACADM	chr1:76190042-76229355	0.280101	0.999791
XLOC_016738	XLOC_016738	LRRC66	chr4:52859865-52883786	0.280118	1
XLOC_023185	XLOC_023185	ENTPD2	chr9:139942550-139948503	0.28013	0.999791
XLOC_010789	XLOC_010789	GAPDHS	chr19:36024313-36038429	0.280136	1
XLOC_015819	XLOC_015819	SHQ1	chr3:72798427-72897598	0.280228	0.999791
XLOC_000367	XLOC_000367	TSPAN1	chr1:46640748-46651634	0.280477	1
XLOC_017524	XLOC_017524	ZFP2	chr5:178322915-178360210	0.280495	1
XLOC_011456	XLOC_011456	FBXW9	chr19:12799729-12807455	0.280571	0.999791
XLOC_012528	XLOC_012528	HOXD8	chr2:176994421-176997423	0.280944	0.999791
XLOC_002766	XLOC_002766	LRRC27	chr10:134145613-134195010	0.281014	0.999791
XLOC_004886	XLOC_004886	FLJ12825	chr12:54452037-54516018	0.281133	1
XLOC_009975	XLOC_009975	UNC13D	chr17:73823307-73840798	0.281666	0.999791
XLOC_018030	XLOC_018030	PSMG4	chr6:3259161-3268300	0.281694	0.999791
XLOC_006732	XLOC_006732	IPO4	chr14:24641233-24658124	0.281794	0.993188
XLOC_005064	XLOC_005064	TDG	chr12:104359592-104382656	0.281811	0.999791
XLOC_003785	XLOC_003785	KIAA1377	chr11:101761404-101871793	0.281841	1
XLOC_013916	XLOC_013916	BCL2L1	chr20:30252260-30310656	0.281922	0.999791
XLOC_002544	XLOC_002544	LINC00857	chr10:81967465-81979413	0.282194	0.999791
XLOC_008845	XLOC_008845	PFAS	chr17:8152595-8173809	0.282225	0.999791
XLOC_004942	XLOC_004942	GLI1	chr12:57853917-57873633	0.282888	1
XLOC_012411	XLOC_012411	INHBB	chr2:121103718-121109383	0.283305	1
XLOC_014343	XLOC_014343	ZBTB21	chr21:43406939-43430496	0.283424	0.999791
XLOC_016145	XLOC_016145	C3orf43	chr3:196233749-196242237	0.283614	1
XLOC_002755	XLOC_002755	FANK1	chr10:127585107-127698161	0.283903	0.999791

XLOC_021854	XLOC_021854	MFHAS1	chr8:8641998-8751131	0.284151	0.999791
XLOC_004078	XLOC_004078	CSNK2A3	chr11:11292420-11643561	0.284238	1
XLOC_012591	XLOC_012591	NOP58	chr2:203130514-203168384	0.284596	0.9731
XLOC_003240	XLOC_003240	MUC5B	chr11:1244294-1283406	0.284751	1
XLOC_012083	XLOC_012083	EPT1	chr2:26531040-26618759	0.284905	0.998026
XLOC_023967	XLOC_023967	CHM	chrX:85116184-85302566	0.285014	0.999791
XLOC_014918	XLOC_014918	TRNT1	chr3:3168599-3190706	0.285059	0.999791
XLOC_011249	XLOC_011249	ZNF324B	chr19:58962970-58969199	0.285137	0.999791
XLOC_024078	XLOC_024078	MBNL3	chrX:131503342-131623996	0.285314	1
XLOC_015376	XLOC_015376	GRK7	chr3:141497042-141535892	0.285349	1
XLOC_001676	XLOC_001676	EXTL2	chr1:101337927-101360735	0.28535	0.999791
XLOC_014911	XLOC_014911	SYCE3	chr22:50989540-51001328	0.285449	0.995491
XLOC_017104	XLOC_017104	SPEF2	chr5:35617988-35814713	0.285501	0.999791
XLOC_024111	XLOC_024111	RBMX	chrX:135951352-135962939	0.285524	0.999791
XLOC_016394	XLOC_016394	MRPL1	chr4:78783804-78873944	0.285634	0.999791
XLOC_002477	XLOC_002477	NRBF2	chr10:64893006-64914786	0.285997	0.999791
XLOC_022221	XLOC_022221	PYCRL	chr8:144686082-144691784	0.286095	0.993188
XLOC_004062	XLOC_004062	NRIP3	chr11:9002122-9025596	0.286185	1
XLOC_019122	XLOC_019122	ADAT2	chr6:143743968-143771841	0.286227	0.999791
XLOC_017870	XLOC_017870	SPRY4	chr5:141689991-141704620	0.286365	0.999791
XLOC_008218	XLOC_008218	LOC100130894	chr16:70721341-70835061	0.286534	1
XLOC_013479	XLOC_013479	RBCK1	chr20:388708-411610	0.286767	0.999791
XLOC_007249	XLOC_007249	TRIP4	chr15:64680002-64747502	0.286804	0.999791
XLOC_007581	XLOC_007581	LYSMD2	chr15:52015260-52043650	0.286907	0.999791
XLOC_017416	XLOC_017416	PCYOX1L	chr5:148737569-148749221	0.287008	0.999791
XLOC_021226	XLOC_021226	MOGAT3	chr7:100839012-100844302	0.28706	1
XLOC_020560	XLOC_020560	TRIM74	chr7:75024902-75034888	0.287146	0.999791
XLOC_016037	XLOC_016037	TRIM59	chr3:160153290-160167626	0.287488	1
XLOC_015006	XLOC_015006	FBXL2	chr3:33318933-33428757	0.287569	1
XLOC_023179	XLOC_023179	EDF1	chr9:139756570-139760738	0.287571	0.999791
XLOC_023896	XLOC_023896	SPIN3	chrX:57002802-57021988	0.287646	0.999791
XLOC_005737	XLOC_005737	PXN	chr12:120639093-120703574	0.287666	0.998026
XLOC_014591	XLOC_014591	C22orf46	chr22:42086546-42094140	0.287814	0.999791
XLOC_009288	XLOC_009288	SMIM6	chr17:73584138-73663269	0.287961	1
XLOC_018964	XLOC_018964	FILIP1	chr6:76017799-76203496	0.287981	1
XLOC_016829	XLOC_016829	FAM175A	chr4:84377117-84406290	0.287997	0.999791
XLOC_008071	XLOC_008071	FUS	chr16:31191430-31206192	0.288012	0.993188
XLOC_003897	XLOC_003897	CCDC15	chr11:124824016-124911385	0.288369	1
XLOC_008309	XLOC_008309	GAS8	chr16:90089007-90114191	0.288433	0.999791
XLOC_003540	XLOC_003540	DAK	chr11:61066918-61136975	0.28859	0.999791
XLOC_007426	XLOC_007426	ARRDC4	chr15:98503932-98517068	0.288625	0.999791
XLOC_000219	XLOC_000219	SYTL1	chr1:27668482-27680423	0.288643	0.999791
XLOC_003727	XLOC_003727	B3GNT6	chr11:76745434-76753005	0.288744	1
XLOC_000504	XLOC_000504	EPHX4	chr1:92495532-92529093	0.288809	0.999791
XLOC_008294	XLOC_008294	LOC100287036	chr16:89334028-89556969	0.288881	1
XLOC_017258	XLOC_017258	TSLP	chr5:110405777-110413722	0.288949	0.999791
XLOC_008073	XLOC_008073	ITGAM	chr16:31271287-31344213	0.288977	1
XLOC_010744	XLOC_010744	CCNE1	chr19:30302900-30315215	0.289019	0.999791
XLOC_004399	XLOC_004399	RAB6A	chr11:73386682-73472201	0.289034	0.9731
XLOC_009839	XLOC_009839	LOC284080	chr17:48127712-48133103	0.28941	1
XLOC_020882	XLOC_020882	RNF32	chr7:156433352-156469820	0.289457	0.999791
XLOC_014871	XLOC_014871	TTL1	chr22:43435522-43485434	0.289624	0.999791
XLOC_001717	XLOC_001717	ST7L	chr1:113066140-113162040	0.289887	0.999791
XLOC_022615	XLOC_022615	ABL1	chr9:133589267-133763062	0.289888	0.954435
XLOC_023117	XLOC_023117	LOC100272217	chr9:133452736-133454881	0.289969	0.999791
XLOC_015927	XLOC_015927	UROC1	chr3:126200007-126236616	0.290041	1
XLOC_004872	XLOC_004872	AMHR2	chr12:53817638-53825318	0.290067	1
XLOC_002056	XLOC_002056	TOR1AIP2	chr1:179809101-179846941	0.290236	0.961735
XLOC_009357	XLOC_009357	FN3KRP	chr17:80674581-80685893	0.290298	0.999791
XLOC_007169	XLOC_007169	SNAP23	chr15:42787503-42825259	0.290453	0.967711
XLOC_005141	XLOC_005141	CABP1	chr12:121078421-1211105127	0.290627	0.999791
XLOC_004766	XLOC_004766	SLCO1B1	chr12:21284127-21392730	0.29093	1
XLOC_018888	XLOC_018888	LRRRC73	chr6:43474702-43478081	0.290953	0.999791
XLOC_007183	XLOC_007183	CASC4	chr15:44580908-44707959	0.290984	0.960884
XLOC_006396	XLOC_006396	AKAP5	chr14:64932216-64941221	0.291005	1
XLOC_011414	XLOC_011414	ZGLP1	chr19:10415478-10420233	0.291037	0.999791
XLOC_012215	XLOC_012215	PNO1	chr2:68385004-68403094	0.291065	0.999791
XLOC_004510	XLOC_004510	ALKBH8	chr11:107373452-107436461	0.291072	0.999791
XLOC_008393	XLOC_008393	LOC100507501	chr16:4295825-4303790	0.291234	0.999791
XLOC_023113	XLOC_023113	PTGES	chr9:132500614-132515344	0.291522	1
XLOC_003985	XLOC_003985	ZNF195	chr11:3379156-3400452	0.291527	0.999791
XLOC_003127	XLOC_003127	WDR96	chr10:105889645-105992120	0.291639	1
XLOC_002255	XLOC_002255	RBM34	chr1:235294497-235324571	0.291697	0.966897
XLOC_006328	XLOC_006328	LOC100129794	chr14:37147125-37642998	0.29185	0.999791
XLOC_014749	XLOC_014749	RASL10A	chr22:29708921-29711745	0.292997	1
XLOC_012030	XLOC_012030	LOC100506054	chr2:3605975-3609340	0.29304	0.999791
XLOC_004402	XLOC_004402	UCP3	chr11:73711325-73720282	0.293137	1
XLOC_013300	XLOC_013300	FONG	chr2:200625258-200715896	0.293152	0.999791
XLOC_018441	XLOC_018441	SMPD2	chr6:109711417-109765122	0.293187	0.999791

XLOC_002505	XLOC_002505	UNC5B	chr10:72972291-73062635	0.293248	0.999791
XLOC_012531	XLOC_012531	HOXD3	chr2:177028804-177037826	0.293332	0.999791
XLOC_008836	XLOC_008836	CYB5D1	chr17:7760002-7765600	0.293387	0.999791
XLOC_019043	XLOC_019043	TUBE1	chr6:112391859-112423993	0.293397	0.999791
XLOC_020573	XLOC_020573	LOC100133091	chr7:76178657-76257299	0.293421	0.999791
XLOC_014640	XLOC_014640	MOV10L1	chr22:50528434-50600116	0.293591	1
XLOC_012363	XLOC_012363	LIMS1	chr2:109150810-109303702	0.293904	0.999791
XLOC_003085	XLOC_003085	GOT1	chr10:101156626-101190530	0.294129	0.999791
XLOC_018577	XLOC_018577	SYTL3	chr6:159071045-159185908	0.294265	0.999791
XLOC_013311	XLOC_013311	ALS2CR11	chr2:202352143-202483905	0.294376	1
XLOC_002890	XLOC_002890	ZNF37BP	chr10:43008960-43048280	0.294746	0.999791
XLOC_008486	XLOC_008486	EIF3C,EIF3CL	chr16:28390899-28437775	0.294887	1
XLOC_007474	XLOC_007474	CHRFAM7A	chr15:30653442-30685864	0.295141	1
XLOC_004472	XLOC_004472	VSTM5	chr11:93553734-93583668	0.295292	1
XLOC_008098	XLOC_008098	ADCY7	chr16:50321822-50352043	0.295549	0.988021
XLOC_006362	XLOC_006362	SOCS4	chr14:55493843-55516206	0.295705	0.999791
XLOC_000008	XLOC_000008	PLEKHN1	chr1:901876-910484	0.295922	0.999791
XLOC_001461	XLOC_001461	EPHA10	chr1:38181645-38230824	0.295962	0.999791
XLOC_005559	XLOC_005559	C12orf61	chr12:62995530-62997214	0.296004	1
XLOC_010892	XLOC_010892	LOC100505622	chr19:42636780-42641251	0.296314	1
XLOC_016425	XLOC_016425	HERC5	chr4:89378267-89427319	0.296383	1
XLOC_022112	XLOC_022112	NIPAL2	chr8:99204386-99306621	0.296629	1
XLOC_023331	XLOC_023331	MID1IP1	chrX:38660684-38665783	0.296651	0.993188
XLOC_010727	XLOC_010727	ZNF738	chr19:21541734-21571384	0.296835	0.999791
XLOC_023889	XLOC_023889	PFKFB1	chrX:54959566-55024967	0.297452	1
XLOC_010408	XLOC_010408	FBXO15	chr18:71740587-71815100	0.297507	0.999791
XLOC_007142	XLOC_007142	DISP2	chr15:40650433-40663256	0.297599	0.999791
XLOC_016158	XLOC_016158	ZNF595,ZNF718	chr4:53226-156490	0.297611	0.999791
XLOC_012786	XLOC_012786	ODC1	chr2:10580507-10588453	0.29765	0.966897
XLOC_023298	XLOC_023298	SAT1	chrX:23801274-23804327	0.297774	0.949191
XLOC_007885	XLOC_007885	AMDHD2	chr16:2570362-2581409	0.297828	0.999791
XLOC_007388	XLOC_007388	ISG20	chr15:89182038-89198879	0.297864	0.993188
XLOC_015566	XLOC_015566	LOC401052	chr3:10048101-10052779	0.298031	0.999791
XLOC_020961	XLOC_020961	IGF2BP3	chr7:23349827-23509995	0.298272	0.993188
XLOC_011194	XLOC_011194	CCDC106	chr19:56158953-56164526	0.298354	0.999791
XLOC_023997	XLOC_023997	RAB9B	chrX:103077254-103087212	0.29843	1
XLOC_006119	XLOC_006119	LPAR6	chr13:48877882-49056026	0.298653	1
XLOC_016033	XLOC_016033	SHOX2	chr3:157813799-157823952	0.298714	1
XLOC_010576	XLOC_010576	ICAM5	chr19:10400654-10407454	0.298887	0.999791
XLOC_011998	XLOC_011998	ZNF814	chr19:58380746-58400442	0.298987	0.999791
XLOC_015086	XLOC_015086	KIF9-AS1	chr3:47205859-47388306	0.299239	1
XLOC_008306	XLOC_008306	TUBB3	chr16:89988416-90002505	0.299423	0.910882
XLOC_008369	XLOC_008369	SRRM2-AS1	chr16:2787076-2821413	0.299692	1
XLOC_005103	XLOC_005103	SH2B3	chr12:111843751-111889427	0.299834	0.934472
XLOC_022703	XLOC_022703	FAM157B	chr9:141106636-141134172	0.299936	1
XLOC_008675	XLOC_008675	MLKL	chr16:74705752-74734789	0.300116	0.999791
XLOC_013214	XLOC_013214	LOC100506124	chr2:166713985-166728451	0.300145	0.999791
XLOC_014342	XLOC_014342	C2CD2	chr21:43305218-43373999	0.300221	0.910882
XLOC_017812	XLOC_017812	CDKL3	chr5:133634114-133702765	0.300502	0.999791
XLOC_002540	XLOC_002540	LOC642361	chr10:81585657-81587358	0.300521	0.999791
XLOC_001513	XLOC_001513	MUTYH	chr1:45794913-45956840	0.300525	0.999791
XLOC_006896	XLOC_006896	RPS6KL1	chr14:75370656-75389145	0.300702	0.999791
XLOC_009377	XLOC_009377	SCARF1	chr17:1537151-1549041	0.300722	0.999791
XLOC_017600	XLOC_017600	ZFR	chr5:32354455-32444844	0.300768	0.942643
XLOC_021071	XLOC_021071	PSPH	chr7:56078743-56119268	0.301265	0.999791
XLOC_022230	XLOC_022230	PLEC	chr8:144989320-145050913	0.301403	0.914868
XLOC_010606	XLOC_010606	ZNF763	chr19:12075868-12091198	0.301444	0.999791
XLOC_021503	XLOC_021503	PPP3CC	chr8:22298482-22398657	0.301506	1
XLOC_018195	XLOC_018195	LTA	chr6:31539875-31542100	0.301692	1
XLOC_018908	XLOC_018908	PTCHD4	chr6:47845763-48036425	0.301998	1
XLOC_017788	XLOC_017788	FLJ33630	chr5:127357243-127418766	0.302342	0.999791
XLOC_008384	XLOC_008384	ZSCAN32	chr16:3432084-3451025	0.30265	0.999791
XLOC_008672	XLOC_008672	CLEC18B	chr16:74442528-74455368	0.302779	1
XLOC_014829	XLOC_014829	DNAL4	chr22:39174512-39190161	0.302821	0.999791
XLOC_011790	XLOC_011790	ZC3H4	chr19:47567446-47617009	0.302893	0.993188
XLOC_002935	XLOC_002935	AGAP7	chr10:51464150-51486327	0.302914	0.999791
XLOC_017758	XLOC_017758	GIN1	chr5:102421703-102455842	0.303464	0.999791
XLOC_015924	XLOC_015924	ALDH1L1	chr3:125822403-125929011	0.303561	1
XLOC_021314	XLOC_021314	TMEM209	chr7:129804554-129845338	0.303577	0.993188
XLOC_021559	XLOC_021559	ADAM9	chr8:38854504-38962779	0.30359	0.910882
XLOC_013788	XLOC_013788	ABHD16B	chr20:62492565-62494341	0.303865	0.999791
XLOC_010247	XLOC_010247	CNDP2	chr18:72163499-72190689	0.303868	0.910882
XLOC_015638	XLOC_015638	GORASP1	chr3:39138090-39149130	0.304018	0.999617
XLOC_008270	XLOC_008270	COX4I1	chr16:85833172-85840607	0.304205	0.956701
XLOC_018201	XLOC_018201	APOM	chr6:31606804-31625987	0.304328	0.999791
XLOC_009250	XLOC_009250	ARSG	chr17:66255322-66417000	0.304972	0.999791
XLOC_007973	XLOC_007973	IQCK	chr16:19717673-19868859	0.305133	0.999791
XLOC_018082	XLOC_018082	MRS2	chr6:24403152-24425816	0.305969	0.961735
XLOC_001518	XLOC_001518	GPBP1L1	chr1:46092975-46152302	0.30649	0.873023

XLOC_006729	XLOC_006729	NRL	chr14:24549315-24553832	0.306658	0.999791
XLOC_000218	XLOC_000218	LOC644961	chr1:27648635-27662891	0.30667	1
XLOC_008109	XLOC_008109	CAPNS2	chr16:55542912-55620582	0.306671	1
XLOC_015502	XLOC_015502	SNORA63	chr3:186501360-186524484	0.306691	0.999791
XLOC_020593	XLOC_020593	DPY19L2P4	chr7:89748713-89754914	0.306694	1
XLOC_005093	XLOC_005093	TCHP	chr12:110338078-110355874	0.306699	0.999791
XLOC_021350	XLOC_021350	DENND2A	chr7:140218219-140302342	0.306763	1
XLOC_020508	XLOC_020508	LOC649395	chr7:63894070-63895895	0.306818	1
XLOC_009634	XLOC_009634	CCL3L1	chr17:34522267-34524156	0.306823	1
XLOC_015835	XLOC_015835	DHFRL1	chr3:93776765-93845630	0.307103	0.999791
XLOC_017878	XLOC_017878	LARS	chr5:145492588-145562294	0.307148	0.910882
XLOC_014320	XLOC_014320	HLCS	chr21:38123188-38362545	0.307285	0.999791
XLOC_003384	XLOC_003384	RCN1	chr11:32112476-32127272	0.307494	0.886909
XLOC_020898	XLOC_020898	MICALL2	chr7:1473994-1499109	0.307984	0.999791
XLOC_022394	XLOC_022394	ANXA1	chr9:75766780-75785307	0.308019	0.957042
XLOC_001008	XLOC_001008	RASSF5	chr1:206680878-206762616	0.308263	0.999791
XLOC_016289	XLOC_016289	N4BP2	chr4:40044536-40159872	0.308288	0.999791
XLOC_008708	XLOC_008708	C16orf74	chr16:85741123-85784689	0.308387	0.956701
XLOC_003701	XLOC_003701	ATG16L2	chr11:72525450-72540680	0.308751	0.949191
XLOC_010474	XLOC_010474	ZNF556	chr19:2867332-2878501	0.308898	0.999791
XLOC_010490	XLOC_010490	ATCAY	chr19:3880617-3928080	0.308985	1
XLOC_008881	XLOC_008881	CCDC144A	chr17:16593638-16678311	0.30909	1
XLOC_024200	XLOC_024200	GAB3	chrX:153903526-153979348	0.309191	1
XLOC_009081	XLOC_009081	PSME3	chr17:40985158-40995777	0.309611	0.8679
XLOC_004998	XLOC_004998	GLIPR1L2	chr12:75784849-75826177	0.309896	1
XLOC_004517	XLOC_004517	RDX	chr11:110045604-110167437	0.310115	1
XLOC_002329	XLOC_002329	FAM208B	chr10:5726800-5805703	0.310434	0.993188
XLOC_001440	XLOC_001440	SFPQ	chr1:35649200-35658743	0.310536	0.956701
XLOC_015432	XLOC_015432	NMD3	chr3:160939098-160969795	0.310662	0.886909
XLOC_014758	XLOC_014758	OSM	chr22:30658818-30662829	0.310827	1
XLOC_017332	XLOC_017332	CATSPER3	chr5:134303595-134347397	0.311208	0.999791
XLOC_002346	XLOC_002346	CDC123	chr10:12171639-12292589	0.311317	0.999791
XLOC_014891	XLOC_014891	CN5H6.4	chr22:46691039-46692557	0.311447	1
XLOC_015700	XLOC_015700	ARIH2OS	chr3:48955220-49022971	0.311559	0.999791
XLOC_008772	XLOC_008772	SMTNL2	chr17:4487275-4511614	0.311567	1
XLOC_018712	XLOC_018712	ZSCAN12	chr6:28346597-28367544	0.311721	0.999791
XLOC_018137	XLOC_018137	ZSCAN12P1	chr6:28058584-28063493	0.311805	0.999791
XLOC_001653	XLOC_001653	GF11	chr1:92940317-92952433	0.311881	0.999791
XLOC_015790	XLOC_015790	ACOX2	chr3:58490862-58522929	0.31192	0.999791
XLOC_010555	XLOC_010555	HNRNPM	chr19:8509802-8554002	0.311962	0.89596
XLOC_003950	XLOC_003950	CEND1	chr11:787109-790126	0.312147	1
XLOC_021232	XLOC_021232	SPDYE6	chr7:101986191-101996889	0.3124	1
XLOC_018628	XLOC_018628	RPP40	chr6:4995279-5004271	0.312499	0.999791
XLOC_005822	XLOC_005822	CDK8	chr13:26828755-26978569	0.3126	0.999791
XLOC_016163	XLOC_016163	MYL5	chr4:671710-682973	0.312759	0.999791
XLOC_014808	XLOC_014808	RAC2	chr22:37621309-37640305	0.313025	0.999791
XLOC_023316	XLOC_023316	GK	chrX:30671475-30749577	0.313181	0.999791
XLOC_003772	XLOC_003772	PIWIL4	chr11:94300473-94354587	0.313274	0.999791
XLOC_013071	XLOC_013071	LONRF2	chr2:100889752-100939195	0.313407	1
XLOC_000835	XLOC_000835	FCRLB	chr1:161692456-161697933	0.313427	0.999791
XLOC_004631	XLOC_004631	SNX19	chr11:130745765-130786382	0.313603	0.999791
XLOC_006806	XLOC_006806	PYGL	chr14:51371934-51411248	0.313799	0.886909
XLOC_000294	XLOC_000294	UTP11L	chr1:38478383-38490497	0.313819	0.886864
XLOC_000395	XLOC_000395	GPX7	chr1:53068042-53074723	0.31415	1
XLOC_013836	XLOC_013836	SPEF1	chr20:3758150-3762102	0.314413	1
XLOC_010311	XLOC_010311	ZNF521	chr18:22641887-22932214	0.314566	1
XLOC_017640	XLOC_017640	C5orf28	chr5:43444353-43483992	0.314809	0.999791
XLOC_016872	XLOC_016872	SLC9B1	chr4:103790134-103940896	0.315142	1
XLOC_004319	XLOC_004319	ZNHIT2	chr11:64883874-64885170	0.315209	0.999791
XLOC_007606	XLOC_007606	SLTM	chr15:59171243-59225852	0.315291	0.886909
XLOC_009319	XLOC_009319	C1QTNF1	chr17:77015290-77045870	0.315505	0.956701
XLOC_006758	XLOC_006758	DTD2	chr14:31915242-31926680	0.315512	0.999791
XLOC_006315	XLOC_006315	NUBPL	chr14:32030590-32330429	0.315841	0.999791
XLOC_016376	XLOC_016376	CXCL1	chr4:74735108-74737019	0.315851	1
XLOC_023187	XLOC_023187	LOC100289341	chr9:139979397-139981269	0.315989	0.999791
XLOC_007864	XLOC_007864	TBL3	chr16:2022063-2028751	0.31617	0.873899
XLOC_023655	XLOC_023655	SLITRK2	chrX:144899346-144907360	0.316603	1
XLOC_022931	XLOC_022931	IARS	chr9:94972489-95056038	0.316692	0.966897
XLOC_014225	XLOC_014225	MCM3AP-AS1	chr21:47649157-47705236	0.316738	1
XLOC_010367	XLOC_010367	CCDC11	chr18:47753562-47792865	0.316772	0.999791
XLOC_005037	XLOC_005037	AMDHD1	chr12:96337070-96362370	0.316923	0.999791
XLOC_010381	XLOC_010381	NARS	chr18:55267893-55289177	0.316978	0.910882
XLOC_006709	XLOC_006709	PRMT5	chr14:23389732-23398661	0.316996	0.867056
XLOC_013324	XLOC_013324	MDH1B	chr2:207602488-207630050	0.317124	1
XLOC_007644	XLOC_007644	MEGF11	chr15:66187633-66546075	0.317283	1
XLOC_021304	XLOC_021304	PRRT4	chr7:127990378-128001739	0.317925	0.993188
XLOC_017689	XLOC_017689	GTF2H2	chr5:70330950-70363497	0.318071	0.999791
XLOC_014175	XLOC_014175	SH3BGR	chr21:40817796-40887433	0.318077	0.999791
XLOC_014906	XLOC_014906	DENND6B	chr22:50750391-50765489	0.318185	0.999791

XLOC_019197	XLOC_019197	THBS2	chr6:169615874-169654137	0.318229	0.999791
XLOC_020751	XLOC_020751	NRF1	chr7:129251554-129396922	0.318292	0.999791
XLOC_013706	XLOC_013706	CSE1L	chr20:47662782-47713497	0.318299	0.866946
XLOC_017093	XLOC_017093	C5orf22	chr5:31532372-31555165	0.318309	0.994496
XLOC_002759	XLOC_002759	PTPRE	chr10:129705324-129884164	0.319058	0.999791
XLOC_011968	XLOC_011968	IL11	chr19:55875749-55881831	0.319279	0.957042
XLOC_020991	XLOC_020991	SCRN1	chr7:29959718-30029905	0.319282	1
XLOC_012250	XLOC_012250	MTHFD2	chr2:74425689-74442424	0.319408	0.956701
XLOC_008062	XLOC_008062	CTF1	chr16:30907927-30914881	0.320199	0.999791
XLOC_022283	XLOC_022283	TYRP1	chr9:12693385-12710266	0.320317	1
XLOC_019059	XLOC_019059	MCM9	chr6:119134611-119256327	0.320459	0.999791
XLOC_014321	XLOC_014321	PIGP	chr21:38437663-38445458	0.32093	0.993188
XLOC_018188	XLOC_018188	HCG27	chr6:31165536-31171745	0.321059	0.999791
XLOC_002101	XLOC_002101	KIF21B	chr1:200938513-200992828	0.321177	1
XLOC_015072	XLOC_015072	CCR9	chr3:45864809-45957216	0.321219	1
XLOC_015903	XLOC_015903	WDR5B	chr3:122130699-122134882	0.321247	0.999791
XLOC_009547	XLOC_009547	B9D1	chr17:19240866-19290532	0.321437	0.999791
XLOC_007978	XLOC_007978	LYRM1	chr16:20869395-20936328	0.321794	0.999791
XLOC_006224	XLOC_006224	LINC00346	chr13:111516333-111522655	0.322002	0.999791
XLOC_009201	XLOC_009201	GDPD1	chr17:57297827-57353330	0.322225	0.999791
XLOC_013795	XLOC_013795	LINC00176	chr20:62665696-62671315	0.322225	0.999791
XLOC_012987	XLOC_012987	SLC4A5	chr2:74443368-74570534	0.322509	0.914868
XLOC_005295	XLOC_005295	MAGOHB	chr12:10756363-10766208	0.322534	0.999791
XLOC_003003	XLOC_003003	ZSWIM8-AS1	chr10:75545381-75561556	0.322578	0.999791
XLOC_009376	XLOC_009376	SLC43A2	chr17:1477695-1532130	0.322895	0.999791
XLOC_008155	XLOC_008155	SETD6	chr16:58549382-58663790	0.323191	0.999791
XLOC_000415	XLOC_000415	LOC100507634	chr1:55681080-55683128	0.323503	0.999791
XLOC_009352	XLOC_009352	TEX19	chr17:80317122-80321652	0.323619	0.999791
XLOC_007726	XLOC_007726	BCL2A1	chr15:80253231-80263643	0.323648	0.873023
XLOC_016166	XLOC_016166	IDUA	chr4:972862-998317	0.323825	0.999791
XLOC_013456	XLOC_013456	PP14571	chr2:241375114-241407495	0.323918	1
XLOC_023094	XLOC_023094	LOC100289019	chr9:130873449-130881013	0.324018	0.999791
XLOC_001596	XLOC_001596	GNG12	chr1:68167148-68698284	0.324041	0.999791
XLOC_013962	XLOC_013962	TGM2	chr20:36756863-36793700	0.324054	0.902763
XLOC_020915	XLOC_020915	FBXL18	chr7:5515427-5553399	0.324123	0.999791
XLOC_006277	XLOC_006277	MMP14	chr14:23305792-23316803	0.324242	0.873023
XLOC_010731	XLOC_010731	LOC641367	chr19:21906842-21950430	0.324456	1
XLOC_010898	XLOC_010898	LOC100996307	chr19:42901299-43156507	0.324457	1
XLOC_006817	XLOC_006817	BMP4	chr14:54416454-54423554	0.324786	0.999791
XLOC_014470	XLOC_014470	GGT1	chr22:24979717-25024972	0.324991	0.999791
XLOC_008531	XLOC_008531	STX1B	chr16:31000576-31021829	0.325028	0.999791
XLOC_022919	XLOC_022919	SHC3	chr9:91620685-91793682	0.325198	1
XLOC_010623	XLOC_010623	IER2	chr19:13261281-13265718	0.325215	0.812173
XLOC_009236	XLOC_009236	RGS9	chr17:63133455-63223821	0.325487	1
XLOC_007645	XLOC_007645	TIPIN	chr15:66629007-66649054	0.325501	0.999791
XLOC_022898	XLOC_022898	FRMD3	chr9:85857904-86153348	0.325518	1
XLOC_022195	XLOC_022195	KCNK9	chr8:140624803-140715299	0.32571	1
XLOC_005025	XLOC_005025	SOCS2	chr12:93959403-93970521	0.32613	0.949191
XLOC_005907	XLOC_005907	CCDC70	chr13:52436116-52440372	0.32642	1
XLOC_020811	XLOC_020811	CLCN1	chr7:143013218-143049097	0.326447	1
XLOC_013283	XLOC_013283	STAT1	chr2:191833761-191878976	0.326595	0.886909
XLOC_014886	XLOC_014886	WNT7B	chr22:46316247-46373008	0.326843	1
XLOC_004139	XLOC_004139	ABTB2	chr11:34172533-34379555	0.326888	0.999791
XLOC_022184	XLOC_022184	HPYR1	chr8:133572744-133573726	0.326905	1
XLOC_018259	XLOC_018259	ARMC12	chr6:35704858-35716685	0.326947	0.999791
XLOC_014950	XLOC_014950	ATG7	chr3:11314009-11762220	0.327289	0.999791
XLOC_002314	XLOC_002314	GTPBP4	chr10:1034348-1063708	0.327626	0.754339
XLOC_011603	XLOC_011603	LOC100506469	chr19:36024313-36038429	0.327706	0.999791
XLOC_009491	XLOC_009491	PIK3R5	chr17:8782232-8869029	0.327731	1
XLOC_018071	XLOC_018071	KDM1B	chr6:18155618-18224084	0.327881	0.999791
XLOC_005098	XLOC_005098	RAD9B	chr12:110940004-110969891	0.328188	0.999791
XLOC_006726	XLOC_006726	ZFH2	chr14:23980968-24048009	0.328358	1
XLOC_013496	XLOC_013496	EBF4	chr20:2673523-2740754	0.328367	0.999791
XLOC_013769	XLOC_013769	DPH3P1	chr20:61448413-61493115	0.328599	0.999791
XLOC_019103	XLOC_019103	NHEG1	chr6:137303295-137314368	0.328607	1
XLOC_013776	XLOC_013776	BIRC7	chr20:61867275-61871854	0.328611	1
XLOC_014480	XLOC_014480	MYO18B	chr22:26138119-26427007	0.328871	1
XLOC_008624	XLOC_008624	ZDHHC1	chr16:67428321-67450339	0.328898	0.999791
XLOC_012950	XLOC_012950	WDR92	chr2:68357280-68384692	0.329097	0.999791
XLOC_007525	XLOC_007525	SPTBN5	chr15:42120282-42186275	0.329201	1
XLOC_011593	XLOC_011593	ZNF599	chr19:35248978-35264134	0.329471	0.999791
XLOC_020881	XLOC_020881	LINC00244	chr7:156333184-156333795	0.330198	1
XLOC_014374	XLOC_014374	ITGB2	chr21:46305867-46349595	0.330619	1
XLOC_015839	XLOC_015839	CPOX	chr3:98298289-98312455	0.330769	0.797051
XLOC_023153	XLOC_023153	C9orf116	chr9:138387025-138391761	0.331095	0.999791
XLOC_011328	XLOC_011328	PLIN4	chr19:4472254-4517716	0.331255	1
XLOC_013832	XLOC_013832	GFRA4	chr20:3639938-3644046	0.331381	1
XLOC_003323	XLOC_003323	IPO7	chr11:9406168-9469674	0.331832	0.691708
XLOC_004011	XLOC_004011	HBG2	chr11:5274420-5276011	0.33227	0.999791

XLOC_008919	XLOC_008919	MAP2K3	chr17:21187967-21218551	0.332361	0.763244
XLOC_019127	XLOC_019127	EPM2A	chr6:145946439-146285233	0.332387	0.999791
XLOC_008414	XLOC_008414	TEKT5	chr16:10721360-10788802	0.33246	1
XLOC_016646	XLOC_016646	OTOP1	chr4:4190529-4228621	0.332566	1
XLOC_001327	XLOC_001327	PLA2G2D	chr1:20439142-20446059	0.332598	1
XLOC_015555	XLOC_015555	OXTR	chr3:8792094-8811300	0.332822	1
XLOC_011016	XLOC_011016	CD37	chr19:49838676-49865714	0.332984	1
XLOC_004768	XLOC_004768	PYROXD1	chr12:21590537-21654603	0.333017	0.999791
XLOC_017215	XLOC_017215	FAM151B	chr5:79783799-79838382	0.333027	1
XLOC_011384	XLOC_011384	KANK3	chr19:8387467-8408146	0.333111	0.999791
XLOC_004635	XLOC_004635	IGSF9B	chr11:133785184-133826880	0.333802	1
XLOC_004776	XLOC_004776	RASSF8	chr12:26107587-26232825	0.334244	1
XLOC_005232	XLOC_005232	C12orf4	chr12:4596900-4647637	0.334546	0.999791
XLOC_007980	XLOC_007980	ANKS4B	chr16:21245015-21263750	0.334822	1
XLOC_003021	XLOC_003021	MAT1A	chr10:82031575-82049434	0.334914	1
XLOC_002768	XLOC_002768	C10orf91	chr10:134258713-134261825	0.334936	1
XLOC_021248	XLOC_021248	LOC100216546	chr7:104622193-104631612	0.335065	1
XLOC_014953	XLOC_014953	TSEN2	chr3:12525930-12574820	0.335296	0.999791
XLOC_009775	XLOC_009775	SLC4A1	chr17:42325757-42345502	0.335396	1
XLOC_011924	XLOC_011924	ZNF702P	chr19:53471503-53496784	0.335606	0.999791
XLOC_023862	XLOC_023862	SHROOM4	chrX:50334642-50557044	0.335688	1
XLOC_003807	XLOC_003807	C11orf93	chr11:111164113-111179460	0.335926	0.999791
XLOC_014355	XLOC_014355	HSF2BP	chr21:44949071-45079374	0.336269	0.999791
XLOC_015169	XLOC_015169	C3orf49	chr3:63805040-63849597	0.336367	1
XLOC_004503	XLOC_004503	CARD16	chr11:104912052-104916051	0.336412	1
XLOC_012275	XLOC_012275	MAT2A	chr2:85766100-85788657	0.336455	0.999791
XLOC_002289	XLOC_002289	ZNF124	chr1:247285276-247335318	0.336514	0.999791
XLOC_013905	XLOC_013905	FAM182B	chr20:25744101-25781927	0.33659	1
XLOC_023141	XLOC_023141	SARDH	chr9:136528683-136605077	0.336662	0.999791
XLOC_009501	XLOC_009501	MYH3	chr17:10531842-10560626	0.336755	1
XLOC_000880	XLOC_000880	TOP1P1	chr1:171283485-171311223	0.336936	1
XLOC_008684	XLOC_008684	CHST5	chr16:75562427-75569068	0.337068	0.999791
XLOC_003343	XLOC_003343	PDE3B	chr11:14665268-14893604	0.337232	0.999791
XLOC_005268	XLOC_005268	FAM90A1	chr12:8373855-8380214	0.337563	0.999791
XLOC_014973	XLOC_014973	GALNT15	chr3:16216183-16271253	0.337684	1
XLOC_007550	XLOC_007550	MIR1282	chr15:44038589-44094769	0.337688	0.999791
XLOC_000117	XLOC_000117	CTRC	chr1:15764937-15773153	0.337759	1
XLOC_013581	XLOC_013581	PSIMCT-1	chr20:30102240-30161066	0.337894	0.999791
XLOC_007818	XLOC_007818	PDIA2	chr16:333117-337209	0.337962	1
XLOC_000200	XLOC_000200	CNKSR1	chr1:26503980-26516375	0.338305	0.999791
XLOC_004143	XLOC_004143	PAMR1	chr11:35453375-35547176	0.338799	1
XLOC_001880	XLOC_001880	DCST2	chr1:154991002-155006257	0.339012	1
XLOC_007185	XLOC_007185	EIF3J	chr15:44829265-44955876	0.339051	0.999791
XLOC_007290	XLOC_007290	ADPGK-AS1	chr15:73043707-73090540	0.339104	1
XLOC_012818	XLOC_012818	PFN4	chr2:24338243-24346151	0.339447	1
XLOC_005753	XLOC_005753	RHOF	chr12:122150657-122231594	0.339499	0.891812
XLOC_017483	XLOC_017483	ERGIC1	chr5:172261222-172379688	0.339519	0.774655
XLOC_017149	XLOC_017149	IPO11,LRRC70	chr5:61708572-61924416	0.339563	0.9205
XLOC_001605	XLOC_001605	ZRANB2	chr1:71318035-71546972	0.340442	0.777779
XLOC_014572	XLOC_014572	ATF4	chr22:39916568-39918691	0.340503	0.94436
XLOC_022846	XLOC_022846	ZNF658	chr9:40771401-40792112	0.340514	1
XLOC_014220	XLOC_014220	LOC642852	chr21:46707966-46717269	0.340846	0.999791
XLOC_023466	XLOC_023466	OGT	chrX:70430034-70948962	0.341295	0.999791
XLOC_000561	XLOC_000561	SARS	chr1:109756514-109780804	0.341386	0.886909
XLOC_003404	XLOC_003404	LDLRAD3	chr11:35965611-36252841	0.341515	0.999791
XLOC_022795	XLOC_022795	KIF24	chr9:34179002-34329198	0.341923	0.999791
XLOC_009648	XLOC_009648	SRCIN1	chr17:36686258-36762183	0.342124	0.999791
XLOC_010120	XLOC_010120	NAPG	chr18:10525872-10552766	0.342901	0.910882
XLOC_024071	XLOC_024071	ZNF280C	chrX:129336672-129402922	0.342998	0.999791
XLOC_012587	XLOC_012587	CASP8	chr2:202098165-202152434	0.343097	0.891812
XLOC_001998	XLOC_001998	CD247	chr1:167399876-167487847	0.343211	1
XLOC_002423	XLOC_002423	ZNF32-AS2	chr10:44124264-44170147	0.343253	0.999791
XLOC_016935	XLOC_016935	MGARP	chr4:140187316-140201492	0.343341	1
XLOC_004933	XLOC_004933	HSD17B6	chr12:57157107-57181574	0.343549	0.999791
XLOC_013570	XLOC_013570	PYGB	chr20:25228705-25371618	0.343677	0.999791
XLOC_004939	XLOC_004939	SHMT2	chr12:57623355-57634475	0.343947	0.900729
XLOC_013254	XLOC_013254	TTC30A	chr2:178479025-178483694	0.344737	1
XLOC_009696	XLOC_009696	KRTAP2-1	chr17:39202795-39203568	0.344943	1
XLOC_008835	XLOC_008835	TMEM88	chr17:7758383-7759417	0.345369	0.999791
XLOC_007661	XLOC_007661	ANP32A-IT1	chr15:69070874-69113261	0.34566	1
XLOC_000166	XLOC_000166	EPHA8	chr1:22890003-22930087	0.345691	1
XLOC_021650	XLOC_021650	FABP5	chr8:82192717-82197012	0.34582	0.668574
XLOC_011816	XLOC_011816	IZUMO1	chr19:49244144-49250166	0.345837	1
XLOC_011253	XLOC_011253	LOC100131691	chr19:59070552-59086164	0.345928	1
XLOC_011480	XLOC_011480	PRKACA	chr19:14202506-14228559	0.346138	0.654702
XLOC_001794	XLOC_001794	SV2A	chr1:149874871-149889434	0.346969	1
XLOC_002386	XLOC_002386	GPR158	chr10:25447000-25891157	0.347753	1
XLOC_002569	XLOC_002569	PAPSS2	chr10:89419475-89507462	0.347778	1
XLOC_006160	XLOC_006160	KCTD12	chr13:77454303-77460540	0.3478	0.967815

XLOC_012004	XLOC_012004	ZSCAN18	chr19:58595208-58629793	0.347969	1
XLOC_014764	XLOC_014764	SEC14L3	chr22:30855215-30868034	0.348076	1
XLOC_019113	XLOC_019113	LOC100507462	chr6:139046347-139114456	0.348125	1
XLOC_004990	XLOC_004990	THAP2	chr12:72003378-72074428	0.348442	0.999791
XLOC_004309	XLOC_004309	EHD1	chr11:64620207-64646191	0.348753	0.646951
XLOC_010002	XLOC_010002	LOC100996291	chr17:76257429-76274573	0.348788	1
XLOC_011237	XLOC_011237	ZNF587	chr19:58361180-58376491	0.348871	0.974262
XLOC_022493	XLOC_022493	FSD1L	chr9:108210314-108311385	0.348948	0.999791
XLOC_008175	XLOC_008175	PLEKHG4	chr16:67311412-67360661	0.34927	0.910882
XLOC_006994	XLOC_006994	AHNAK2	chr14:105403590-105446694	0.349356	0.774655
XLOC_003167	XLOC_003167	FGFR2	chr10:123237843-123357972	0.349378	0.999791
XLOC_021241	XLOC_021241	DPY19L2P2	chr7:102815461-102920913	0.349737	1
XLOC_007867	XLOC_007867	NPW	chr16:2069520-2070756	0.349781	0.999791
XLOC_016492	XLOC_016492	FGF2	chr4:123747862-123844159	0.350038	1
XLOC_017113	XLOC_017113	CARD6	chr5:40841409-40855456	0.350061	0.999791
XLOC_001427	XLOC_001427	YARS	chr1:33240839-33242480	0.350223	0.886909
XLOC_020412	XLOC_020412	HOTTIP	chr7:27240039-27246130	0.350282	1
XLOC_007259	XLOC_007259	DIS3L	chr15:66585632-66626236	0.350338	0.910882
XLOC_000909	XLOC_000909	TDRD5	chr11:179560747-179660407	0.350393	0.999791
XLOC_017175	XLOC_017175	SMN2	chr5:70220767-70248842	0.350559	0.999791
XLOC_014509	XLOC_014509	MORC2-AS1	chr22:31318294-31364187	0.350591	0.999791
XLOC_006066	XLOC_006066	N4BP2L2-IT2	chr13:33006929-33112936	0.350694	1
XLOC_015182	XLOC_015182	ARL6IP5	chr3:69134089-69155239	0.350729	0.662844
XLOC_011063	XLOC_011063	SIGLEC9	chr19:51628136-51639520	0.350819	1
XLOC_015910	XLOC_015910	MYLK	chr3:123304402-123603149	0.351463	1
XLOC_018266	XLOC_018266	PNPLA1	chr6:36210944-36276372	0.35169	1
XLOC_018262	XLOC_018262	LHFPL5	chr6:35773070-35791852	0.352621	1
XLOC_013469	XLOC_013469	PDCD1	chr2:242792032-242801058	0.352979	1
XLOC_008019	XLOC_008019	EIF3C,EIF3CL	chr16:28699878-28747053	0.353349	0.999791
XLOC_004790	XLOC_004790	LOC100287314	chr12:30948614-30955645	0.353363	0.999791
XLOC_013999	XLOC_013999	TNNC2	chr20:44451854-44455953	0.35351	1
XLOC_002233	XLOC_002233	NUP133	chr1:229577043-229644088	0.353581	0.638821
XLOC_016110	XLOC_016110	LPP-AS2	chr3:187868993-188608460	0.353691	1
XLOC_012054	XLOC_012054	LINC00570	chr2:11534106-11543203	0.353814	1
XLOC_011088	XLOC_011088	ZNF808	chr19:53030908-53059303	0.354092	0.999791
XLOC_002670	XLOC_002670	SFXN2	chr10:104474297-104498946	0.354439	0.934472
XLOC_007887	XLOC_007887	LOC652276	chr16:2653384-26809495	0.354536	0.999791
XLOC_022056	XLOC_022056	ZNF704	chr8:81540685-81787016	0.354633	1
XLOC_007994	XLOC_007994	HS3ST2	chr16:22825859-22927659	0.354812	1
XLOC_005049	XLOC_005049	ACTR6	chr12:100593864-100618202	0.354938	0.748784
XLOC_006052	XLOC_006052	SLC46A3	chr13:29274217-29293150	0.35499	0.999791
XLOC_002860	XLOC_002860	LRRC37A6P	chr10:27534781-27541235	0.355116	1
XLOC_008643	XLOC_008643	TMED6	chr16:69377148-69385712	0.355565	0.999791
XLOC_015932	XLOC_015932	RUVBL1	chr3:127799799-127842671	0.355594	0.608253
XLOC_020605	XLOC_020605	MGC16142	chr7:92167788-92169079	0.355828	0.999791
XLOC_017578	XLOC_017578	FAM173B	chr5:10225619-10250021	0.355868	0.999791
XLOC_008392	XLOC_008392	SRL	chr16:4239374-4292081	0.355936	1
XLOC_004039	XLOC_004039	DCHS1	chr11:6642557-6677074	0.356232	1
XLOC_000603	XLOC_000603	AP4B1-AS1	chr1:114356432-114447741	0.356441	1
XLOC_013955	XLOC_013955	SAMHD1	chr20:35504569-35580246	0.356599	0.999791
XLOC_003558	XLOC_003558	ASRGL1	chr11:62104773-62160887	0.357062	0.999791
XLOC_001298	XLOC_001298	RSGL1	chr11:16558181-16563659	0.357294	0.999791
XLOC_007121	XLOC_007121	SCG5	chr15:32933869-32989298	0.357969	1
XLOC_019026	XLOC_019026	OSTM1	chr6:108362612-108395941	0.358329	0.910882
XLOC_006437	XLOC_006437	ACOT6	chr14:74083547-74086592	0.358827	1
XLOC_000375	XLOC_000375	MKNK1-AS1	chr1:47004367-47069966	0.358832	1
XLOC_016169	XLOC_016169	MAEA	chr4:1283671-1333925	0.359221	0.64943
XLOC_008373	XLOC_008373	PRSS22	chr16:2902727-2908171	0.359563	0.999791
XLOC_008293	XLOC_008293	ZNF778	chr16:89284110-89295965	0.359748	0.999791
XLOC_015225	XLOC_015225	LNP1	chr3:100082302-100175170	0.359844	0.999791
XLOC_007465	XLOC_007465	GABRB3	chr15:26788693-27018935	0.359887	0.999791
XLOC_012910	XLOC_012910	ASB3,GPR75,GPR75-ASB3	chr2:53897116-54087170	0.360446	0.999791
XLOC_004514	XLOC_004514	C11orf65	chr11:108253726-108338258	0.360543	0.999791
XLOC_005112	XLOC_005112	OAS1	chr12:113344738-113357712	0.360717	1
XLOC_013555	XLOC_013555	INSM1	chr20:20348764-20351592	0.360817	1
XLOC_002141	XLOC_002141	NUAK2	chr1:205271190-205290883	0.360861	1
XLOC_018203	XLOC_018203	LY6G5B	chr6:31638727-31640227	0.361021	0.999791
XLOC_019022	XLOC_019022	BEND3	chr6:107386384-107435636	0.361155	0.999791
XLOC_016052	XLOC_016052	TERC	chr3:169482397-169482848	0.361317	0.999791
XLOC_001225	XLOC_001225	FLJ42875	chr1:2976180-2984289	0.361348	0.999791
XLOC_009960	XLOC_009960	USH1G	chr17:72912175-72919351	0.361435	0.999791
XLOC_012194	XLOC_012194	REL	chr2:61108751-61150178	0.361442	1
XLOC_019016	XLOC_019016	BVES	chr6:105544698-105585049	0.361534	1
XLOC_018569	XLOC_018569	ZDHC14	chr6:157802556-158094977	0.361584	0.999791
XLOC_017892	XLOC_017892	CSF1R	chr5:149432853-149492935	0.361788	1
XLOC_005437	XLOC_005437	FAM186B	chr12:49976657-49999433	0.362221	1
XLOC_003840	XLOC_003840	CEP164	chr11:117192493-117283982	0.362235	0.914868
XLOC_018507	XLOC_018507	SNORA33	chr6:133135707-133138703	0.362234	0.999791
XLOC_007514	XLOC_007514	LOC100505648	chr15:40985952-40987303	0.362525	1

XLOC_013518	XLOC_013518	LOC643406	chr20:5451841-5457780	0.362923	1
XLOC_002392	XLOC_002392	PDSS1	chr10:26986594-27150016	0.363596	0.999791
XLOC_021810	XLOC_021810	ZNF252P-AS1	chr8:146198974-146231432	0.363786	1
XLOC_009471	XLOC_009471	ALOX12B	chr17:7975953-7991021	0.363823	0.999791
XLOC_023000	XLOC_023000	EPB41L4B	chr9:111934253-112083021	0.364039	0.735322
XLOC_017420	XLOC_017420	SLC26A2	chr5:149340299-149366963	0.364061	0.910882
XLOC_018144	XLOC_018144	ZKSCAN3	chr6:28317690-28336954	0.364111	0.999791
XLOC_015698	XLOC_015698	PRKAR2A	chr3:48788092-48885270	0.365064	0.999791
XLOC_013259	XLOC_013259	CCDC141	chr2:179694483-179914786	0.365317	1
XLOC_000259	XLOC_000259	TSSK3	chr1:32827861-32829924	0.365389	0.999791
XLOC_005172	XLOC_005172	GTF2H3	chr12:124105569-124147151	0.365498	0.999791
XLOC_017614	XLOC_017614	LOC646719	chr5:36871462-36876796	0.365508	0.949191
XLOC_006015	XLOC_006015	TPTE2	chr13:19997018-20135714	0.365534	1
XLOC_004716	XLOC_004716	LOC100499405	chr12:9392598-9395645	0.365729	1
XLOC_014397	XLOC_014397	SLC25A18	chr22:18043182-18073647	0.365954	1
XLOC_005362	XLOC_005362	ASUN	chr12:27058111-27091254	0.366066	0.603585
XLOC_010819	XLOC_010819	ZNF568	chr19:37407230-37488834	0.366302	1
XLOC_013586	XLOC_013586	MYLK2	chr20:30407177-30422500	0.366932	1
XLOC_009514	XLOC_009514	TEKT3	chr17:15207128-15244958	0.366985	1
XLOC_005551	XLOC_005551	CYP27B1	chr12:58156116-58160976	0.367198	0.999791
XLOC_013164	XLOC_013164	LOC100129961	chr2:135596185-135676176	0.367233	1
XLOC_010969	XLOC_010969	C5AR2	chr19:47835403-47845272	0.367371	1
XLOC_013107	XLOC_013107	RGPD8	chr2:113125945-113191222	0.367408	1
XLOC_022295	XLOC_022295	ACER2	chr9:19408924-19452500	0.367453	1
XLOC_008935	XLOC_008935	SARM1	chr17:26698986-26733230	0.367507	0.999791
XLOC_004364	XLOC_004364	ACY3	chr11:67410025-67418130	0.367917	1
XLOC_011274	XLOC_011274	CIRBP-AS1	chr19:1267469-1274809	0.368197	0.999791
XLOC_009438	XLOC_009438	KIAA0753	chr17:6481644-6554954	0.368313	0.999791
XLOC_001080	XLOC_001080	PSEN2	chr1:227058272-227083804	0.368633	0.938694
XLOC_008903	XLOC_008903	TVP23B	chr17:18684581-18710026	0.369112	0.759521
XLOC_008329	XLOC_008329	C1QTNF8	chr16:1138225-1146244	0.369117	1
XLOC_009183	XLOC_009183	ANKFN1	chr17:54230835-54560007	0.369203	1
XLOC_012989	XLOC_012989	C2orf81	chr2:74641302-74644844	0.369297	0.999791
XLOC_010241	XLOC_010241	CCDC102B	chr18:66382490-66722426	0.369474	1
XLOC_013057	XLOC_013057	LOC100506123	chr2:98081675-98091049	0.369555	0.999791
XLOC_009544	XLOC_009544	FAM83G	chr17:18853988-18950336	0.369857	0.774655
XLOC_002359	XLOC_002359	PTER	chr10:16478941-16564004	0.369948	0.816615
XLOC_020705	XLOC_020705	TES	chr7:11580546-115898837	0.370365	1
XLOC_023152	XLOC_023152	LOC100506599	chr9:138354564-138364095	0.37099	0.999791
XLOC_021336	XLOC_021336	DGKI	chr7:137074384-137531609	0.371229	0.934472
XLOC_002604	XLOC_002604	SLC35G1	chr10:95653729-95662491	0.37131	0.999791
XLOC_015338	XLOC_015338	NEK11	chr3:130745693-131100319	0.371398	0.999791
XLOC_012008	XLOC_012008	ZNF837	chr19:58878989-58892389	0.371912	0.999791
XLOC_023471	XLOC_023471	RPS26P11	chrX:71130937-71363424	0.3723	0.999791
XLOC_015339	XLOC_015339	NUDT16P1	chr3:130745693-131100319	0.372439	0.999791
XLOC_019104	XLOC_019104	IL20RA	chr6:137321107-137366298	0.372445	0.999791
XLOC_011908	XLOC_011908	ZNF577	chr19:52359055-52391229	0.373124	1
XLOC_007986	XLOC_007986	C16orf52	chr16:22019455-22095972	0.37361	0.999791
XLOC_010457	XLOC_010457	REEP6	chr19:1491164-1497924	0.373861	0.86102
XLOC_009539	XLOC_009539	USP32P2	chr17:18414575-18424566	0.373885	1
XLOC_000858	XLOC_000858	RCS1	chr1:167599473-167675486	0.374035	1
XLOC_012106	XLOC_012106	C2orf16	chr2:27799388-27805589	0.374067	1
XLOC_015379	XLOC_015379	TRPC1	chr3:142443265-142526729	0.374143	1
XLOC_005257	XLOC_005257	C1RL	chr12:7247145-7274447	0.374405	0.914868
XLOC_023268	XLOC_023268	TCEANC	chrX:13671306-13682247	0.374637	1
XLOC_002719	XLOC_002719	CASC2	chr10:119806331-119969665	0.37514	1
XLOC_013715	XLOC_013715	CEBPB	chr20:48807119-48809227	0.37516	0.754339
XLOC_007114	XLOC_007114	ARHGAP11B	chr15:30918878-30931013	0.375527	0.999791
XLOC_017953	XLOC_017953	DUSP1	chr5:172195092-172198203	0.375716	0.653038
XLOC_013731	XLOC_013731	FAM209B	chr20:55108301-55111574	0.375759	0.999791
XLOC_006093	XLOC_006093	KBTBD7	chr13:41765710-41768702	0.375899	1
XLOC_001071	XLOC_001071	DEGS1	chr1:224370909-224381142	0.376079	0.439127
XLOC_010621	XLOC_010621	NFIX	chr19:13106583-13209610	0.376104	0.562407
XLOC_009124	XLOC_009124	KANSL1-AS1	chr17:44107281-44302740	0.37639	0.999791
XLOC_004151	XLOC_004151	ALX4	chr11:44282277-44331716	0.376543	1
XLOC_017661	XLOC_017661	RNF138P1	chr5:54603575-54830873	0.376799	1
XLOC_019121	XLOC_019121	LOC100507489	chr6:143287558-143358719	0.376891	1
XLOC_022579	XLOC_022579	LOC389791	chr9:130890807-130892913	0.377275	0.999791
XLOC_000431	XLOC_000431	EFCAB7	chr1:63989012-64038364	0.377372	0.999791
XLOC_011628	XLOC_011628	ZNF790	chr19:37288451-37407193	0.37744	0.999791
XLOC_007546	XLOC_007546	STRC	chr15:43663312-43910998	0.377873	1
XLOC_002636	XLOC_002636	ENTPD7	chr10:101419262-101515894	0.377929	0.999791
XLOC_015364	XLOC_015364	FAIM	chr3:138327541-138352213	0.37815	0.999791
XLOC_021321	XLOC_021321	LOC646329	chr7:130565750-130598069	0.378266	0.439814
XLOC_003019	XLOC_003019	TMEM254-AS1	chr10:81805988-81852307	0.378428	1
XLOC_023769	XLOC_023769	TMEM27	chrX:15645440-15683154	0.379077	0.999791
XLOC_006459	XLOC_006459	IFT43	chr14:76452095-76550416	0.379185	0.726329
XLOC_021966	XLOC_021966	RNF5P1	chr8:38457692-38458775	0.379239	1
XLOC_015542	XLOC_015542	LRCH3	chr3:197518144-197598456	0.379331	0.999791

XLOC_005482	XLOC_005482	LOC283335	chr12:53436972-53473204	0.379571	0.999791
XLOC_018807	XLOC_018807	COL11A2	chr6:33130468-33160245	0.379613	1
XLOC_009468	XLOC_009468	LOC284023	chr17:7816639-7819265	0.379827	0.833451
XLOC_004322	XLOC_004322	SLC25A45	chr11:65142662-65150142	0.380295	0.999791
XLOC_006760	XLOC_006760	ARHGAP5-AS1	chr14:32544624-32545905	0.380373	0.999791
XLOC_021230	XLOC_021230	RABL5	chr7:100956647-100965093	0.381314	0.653038
XLOC_011476	XLOC_011476	PODNL1	chr19:14041999-14072256	0.3814	1
XLOC_008965	XLOC_008965	ADAP2	chr17:29248753-29286211	0.381434	1
XLOC_014675	XLOC_014675	CLTCL1	chr22:19166986-19279239	0.381983	0.963288
XLOC_004934	XLOC_004934	GPR182	chr12:57388354-57390469	0.382668	1
XLOC_011462	XLOC_011462	RTBDN	chr19:12936290-12946242	0.382691	0.999791
XLOC_021128	XLOC_021128	SRCRB4D	chr7:76018645-76071388	0.382711	0.999791
XLOC_021915	XLOC_021915	NKX3-1	chr8:23536205-23540450	0.382779	0.949191
XLOC_016157	XLOC_016157	ANKRD18BP	chr3:197784403-197807542	0.382903	1
XLOC_020338	XLOC_020338	PSMG3-AS1	chr7:1609708-1629261	0.383348	1
XLOC_012864	XLOC_012864	MYADML	chr2:33951127-33953284	0.383623	1
XLOC_000434	XLOC_000434	ROR1	chr1:64239689-64647179	0.383681	1
XLOC_011951	XLOC_011951	CDC42EP5	chr19:54976209-54984422	0.383903	0.999791
XLOC_014250	XLOC_014250	LINC00515	chr21:26955086-26955536	0.384006	1
XLOC_006483	XLOC_006483	FOXN3-AS1	chr14:89622515-90085494	0.384045	0.999791
XLOC_020429	XLOC_020429	AQP1	chr7:30951414-30965131	0.384048	1
XLOC_014451	XLOC_014451	RAB36	chr22:23487512-23506631	0.38422	0.910882
XLOC_010329	XLOC_010329	ZSCAN30	chr18:32820993-32870196	0.38473	0.999791
XLOC_002824	XLOC_002824	CDNF	chr10:14861250-14879983	0.384769	0.999791
XLOC_017794	XLOC_017794	ACSL6	chr5:131285666-131347761	0.384895	1
XLOC_019050	XLOC_019050	TSPYL4	chr6:116571130-116575261	0.385061	0.852186
XLOC_001384	XLOC_001384	FCN3	chr1:27695600-27701315	0.385113	1
XLOC_001142	XLOC_001142	KIF26B	chr1:245318286-245866428	0.385391	1
XLOC_008375	XLOC_008375	CLDN6	chr16:3064712-3068188	0.385449	1
XLOC_012342	XLOC_012342	IL18R1	chr2:102979096-103015217	0.38613	1
XLOC_018100	XLOC_018100	HIST1H2BE	chr6:26184023-26184458	0.386234	1
XLOC_001126	XLOC_001126	CHRM3	chr1:239792372-240072717	0.386612	1
XLOC_018253	XLOC_018253	SCUBE3	chr6:35182189-35218609	0.386882	1
XLOC_020632	XLOC_020632	ZNF655	chr7:99156044-99174076	0.387455	0.999791
XLOC_000798	XLOC_000798	IFI16	chr1:158979681-159024945	0.387889	0.372926
XLOC_006209	XLOC_006209	TEX30	chr13:103418462-103426149	0.388161	1
XLOC_002577	XLOC_002577	STAMBPL1	chr10:90639943-90683259	0.388189	0.910882
XLOC_018101	XLOC_018101	HIST1H2BF	chr6:26199786-26200216	0.388541	0.999791
XLOC_021058	XLOC_021058	SUN3	chr7:48026745-48068716	0.388937	0.467171
XLOC_016975	XLOC_016975	CTSO	chr4:156845269-156875048	0.389183	1
XLOC_015857	XLOC_015857	MYH15	chr3:108099215-108248169	0.38927	1
XLOC_000455	XLOC_000455	CTH	chr1:70876900-70905534	0.389672	0.830467
XLOC_022824	XLOC_022824	SPAG8	chr9:35792405-35812259	0.389738	1
XLOC_000321	XLOC_000321	CCDC30	chr1:43000559-43120335	0.389905	1
XLOC_020960	XLOC_020960	KLHL7-AS1	chr7:23140846-23145322	0.391061	1
XLOC_018613	XLOC_018613	C6orf195	chr6:2622971-2635298	0.391088	1
XLOC_004113	XLOC_004113	LOC100126784	chr11:19372270-20143147	0.391505	0.999791
XLOC_003552	XLOC_003552	BEST1	chr11:61717355-61735132	0.391685	1
XLOC_006454	XLOC_006454	LOC731223	chr14:75761106-75763111	0.39196	0.999791
XLOC_002503	XLOC_002503	ADAMTS14	chr10:72432558-72522195	0.392025	1
XLOC_011700	XLOC_011700	GRIK5	chr19:42502467-42569957	0.39216	0.999791
XLOC_007111	XLOC_007111	GOLGA8T	chr15:30427989-30439395	0.392202	1
XLOC_013909	XLOC_013909	MLLT10P1	chr20:29637583-29638138	0.392214	1
XLOC_005018	XLOC_005018	LOC338758	chr12:90102731-90105729	0.392507	1
XLOC_020677	XLOC_020677	SPDYE2L	chr7:102178365-102213068	0.392558	1
XLOC_003789	XLOC_003789	BIRC2	chr11:102217912-102249401	0.393017	0.416523
XLOC_002567	XLOC_002567	OPN4	chr10:88414313-88426216	0.393182	1
XLOC_023075	XLOC_023075	MAPKAP1	chr9:128199672-128469513	0.393232	0.610388
XLOC_007960	XLOC_007960	NOMO3	chr16:16326388-16388668	0.393433	1
XLOC_002894	XLOC_002894	ZNF239	chr10:44051792-44070066	0.393799	0.999791
XLOC_021476	XLOC_021476	KIAA1456	chr8:12803182-12887284	0.394157	1
XLOC_016813	XLOC_016813	ANTXR2	chr4:80822770-80994477	0.394215	0.372926
XLOC_018349	XLOC_018349	EFHC1	chr6:52284993-52360583	0.394584	0.934472
XLOC_020780	XLOC_020780	TTC26	chr7:138818489-138874550	0.394669	0.999791
XLOC_011574	XLOC_011574	ZNF91	chr19:23540497-23578269	0.394693	0.957042
XLOC_023812	XLOC_023812	RPGR	chrX:38128422-38186788	0.394836	0.998026
XLOC_015822	XLOC_015822	FAM86DP	chr3:75470702-75484266	0.394926	0.794784
XLOC_021095	XLOC_021095	TYW1B	chr7:72023728-72298813	0.395414	0.999791
XLOC_021745	XLOC_021745	TRIB1	chr8:126442562-126450644	0.395444	0.371043
XLOC_004336	XLOC_004336	CATSPER1	chr11:65784222-65793988	0.395568	0.999791
XLOC_012830	XLOC_012830	GPR113	chr2:26531040-26618759	0.396	1
XLOC_006376	XLOC_006376	TOMM20L	chr14:58862643-59015549	0.396105	0.999791
XLOC_008491	XLOC_008491	SULT1A1	chr16:28616907-28634907	0.396325	0.86102
XLOC_010698	XLOC_010698	GDF15	chr19:18496967-18499986	0.396543	0.64943
XLOC_015153	XLOC_015153	CCDC66	chr3:56591183-56711735	0.396573	0.999791
XLOC_017913	XLOC_017913	FLJ38109	chr5:153570294-153825382	0.396671	1
XLOC_012074	XLOC_012074	FAM228B	chr2:24346349-24392507	0.396889	0.999791
XLOC_010963	XLOC_010963	NPAS1	chr19:47524142-47549017	0.397129	0.999791
XLOC_003159	XLOC_003159	EIF3A	chr10:120794540-120840334	0.397242	0.388523

XLOC_015803	XLOC_015803	ADAMTS9	chr3:64501330-64997143	0.397272	1
XLOC_017846	XLOC_017846	PROB1	chr5:138727634-138730885	0.397429	0.999791
XLOC_013614	XLOC_013614	ASIP	chr20:32848170-32857148	0.397431	1
XLOC_000125	XLOC_000125	FBLJM1	chr1:16085254-16113084	0.397734	0.999791
XLOC_010270	XLOC_010270	LINC00470	chr18:1268311-1359630	0.39823	1
XLOC_008066	XLOC_008066	HSD3B7	chr16:30996518-31000473	0.398352	0.389544
XLOC_021793	XLOC_021793	KIAA1875	chr8:145162628-145173218	0.398819	1
XLOC_010200	XLOC_010200	ME2	chr18:48405431-48476162	0.398892	0.326135
XLOC_005120	XLOC_005120	SDSL	chr12:113860215-113876081	0.399448	0.371043
XLOC_017531	XLOC_017531	LTC4S	chr5:179220985-179223513	0.400178	0.999791
XLOC_001200	XLOC_001200	MXRA8	chr1:1288070-1293915	0.400234	0.999791
XLOC_022760	XLOC_022760	MIR31HG	chr9:21454266-21559697	0.401061	0.999791
XLOC_019095	XLOC_019095	ALDH8A1	chr6:135238527-135271260	0.401125	1
XLOC_012483	XLOC_012483	TANK	chr2:161993465-162092683	0.401134	0.999791
XLOC_006798	XLOC_006798	C14orf183	chr14:50550368-50559361	0.401273	1
XLOC_017221	XLOC_017221	ATG10	chr5:81267843-81551216	0.401984	0.999791
XLOC_016131	XLOC_016131	XXYLT1	chr3:194789012-194991895	0.402033	0.993188
XLOC_021878	XLOC_021878	FAM86B2	chr8:12283123-12293852	0.402125	0.999791
XLOC_005545	XLOC_005545	ARHGAP9	chr12:57853917-57873633	0.402467	1
XLOC_017116	XLOC_017116	FBXO4	chr5:41925355-41941672	0.402473	0.797576
XLOC_018044	XLOC_018044	LOC100506207	chr6:8435855-8785678	0.402689	1
XLOC_008367	XLOC_008367	ERVK13-1	chr16:2708389-2723440	0.402944	0.886909
XLOC_008463	XLOC_008463	LOC100271836	chr16:21458003-21513602	0.403233	1
XLOC_010932	XLOC_010932	APOC1P1	chr19:45430059-45434643	0.403264	1
XLOC_011302	XLOC_011302	SLC39A3	chr19:2732522-2740074	0.404894	0.86102
XLOC_005977	XLOC_005977	TPP2	chr13:103249285-103331523	0.405053	0.326135
XLOC_021087	XLOC_021087	LINC00174	chr7:65841030-65865395	0.405147	0.999791
XLOC_013997	XLOC_013997	WFDC10B	chr20:44313289-44337456	0.405211	1
XLOC_021742	XLOC_021742	ZNF572	chr8:125985538-125991630	0.405278	0.978746
XLOC_010814	XLOC_010814	LOC728752	chr19:36980528-36981942	0.40573	0.999791
XLOC_021402	XLOC_021402	ABCF2	chr7:150904922-150924317	0.405735	0.377392
XLOC_017736	XLOC_017736	MBLAC2	chr5:89754019-89770585	0.405893	0.939694
XLOC_003744	XLOC_003744	CCDC81	chr11:86085777-86134151	0.406515	1
XLOC_021315	XLOC_021315	CEP41	chr7:130033611-130081051	0.4067	0.967711
XLOC_022788	XLOC_022788	AQP3	chr9:33441151-33447631	0.40671	1
XLOC_001825	XLOC_001825	THEM4	chr1:151843342-151882361	0.406976	0.610388
XLOC_014381	XLOC_014381	COL18A1-AS1	chr21:46825096-46933634	0.40743	1
XLOC_007844	XLOC_007844	SSTR5	chr16:1114081-1131454	0.40755	1
XLOC_004938	XLOC_004938	NXP4	chr12:57610577-57620232	0.407793	0.387491
XLOC_022053	XLOC_022053	HEY1	chr8:80676244-80680098	0.408195	0.999791
XLOC_006236	XLOC_006236	RASA3	chr13:114747193-114898095	0.408792	0.318368
XLOC_017379	XLOC_017379	PCDHB10	chr5:140571951-140575213	0.409467	1
XLOC_022151	XLOC_022151	ENPP2	chr8:120569316-120651106	0.409531	1
XLOC_012191	XLOC_012191	VRK2	chr2:58273776-58468515	0.40974	0.999791
XLOC_016184	XLOC_016184	GRK4	chr4:2965342-3042474	0.409967	0.999791
XLOC_005174	XLOC_005174	ATP6V0A2	chr12:124196864-124246301	0.410084	0.910882
XLOC_004253	XLOC_004253	FADS1	chr1:161567096-61584529	0.410146	1
XLOC_017319	XLOC_017319	LEAP2	chr5:132209357-132210582	0.410165	0.999791
XLOC_003560	XLOC_003560	ROM1	chr11:62369690-62382592	0.410312	0.999791
XLOC_015834	XLOC_015834	STX19	chr3:93698982-93774522	0.410534	1
XLOC_010191	XLOC_010191	RNF165	chr18:43914186-44040783	0.410556	1
XLOC_004520	XLOC_004520	POU2AF1	chr11:111222980-111250157	0.410612	1
XLOC_022573	XLOC_022573	C9orf17	chr9:130469270-130477936	0.410646	0.999791
XLOC_011437	XLOC_011437	ELAVL3	chr19:11562142-11591803	0.410715	1
XLOC_022515	XLOC_022515	C9orf43	chr9:116169517-116191879	0.410816	0.999791
XLOC_011031	XLOC_011031	PRRG2	chr19:50084586-50094265	0.410943	0.999791
XLOC_018430	XLOC_018430	AIM1	chr6:106959729-107018334	0.411163	1
XLOC_006500	XLOC_006500	UNC79	chr14:93799564-94173689	0.411169	1
XLOC_017906	XLOC_017906	SLC36A2	chr5:150694538-150727151	0.411412	1
XLOC_005382	XLOC_005382	KIF21A	chr12:39687029-39837192	0.412708	0.886909
XLOC_006718	XLOC_006718	HOMEZ	chr14:23742843-23755309	0.412827	0.794784
XLOC_007619	XLOC_007619	LOC100130855	chr15:63796709-63894620	0.413113	0.999791
XLOC_023329	XLOC_023329	OTC	chrX:38211735-38280703	0.413473	1
XLOC_012161	XLOC_012161	SLC3A1	chr2:44502596-44589001	0.413612	1
XLOC_012150	XLOC_012150	TMEM178A	chr2:39892637-39945104	0.413863	1
XLOC_002004	XLOC_002004	LOC100505918	chr1:168369426-168391894	0.414713	1
XLOC_011573	XLOC_011573	ZNF724P	chr19:23406606-23433172	0.41493	1
XLOC_008658	XLOC_008658	FTSJD1	chr16:71316202-71323509	0.415054	0.421482
XLOC_000638	XLOC_000638	ANKRD34A	chr1:145470507-145475647	0.415406	0.978746
XLOC_008576	XLOC_008576	RPGRIP1L	chr16:53633817-53737771	0.415791	1
XLOC_001392	XLOC_001392	PTAFR	chr1:28473676-28520447	0.415975	1
XLOC_020552	XLOC_020552	GTF2I	chr7:74072029-74175022	0.416402	0.999791
XLOC_009052	XLOC_009052	KRTAP4-9	chr17:39261640-39262740	0.416891	0.999791
XLOC_005643	XLOC_005643	LOC643770	chr12:98879321-98897633	0.416901	1
XLOC_006106	XLOC_006106	SLC25A30	chr13:45967453-45992516	0.416904	0.999791
XLOC_019044	XLOC_019044	LAMA4	chr6:112429133-112575917	0.417129	1
XLOC_018247	XLOC_018247	ITPR3	chr6:33589155-33664348	0.417266	0.362896
XLOC_018080	XLOC_018080	NRSN1	chr6:24126413-24147757	0.417633	1
XLOC_005001	XLOC_005001	NAV3	chr12:78225068-78606790	0.417767	0.304629

XLOC_016412	XLOC_016412	WDFY3-AS2	chr4:85887970-85928168	0.418032	1
XLOC_016054	XLOC_016054	LRR34	chr3:169511215-169530574	0.419305	0.999791
XLOC_018106	XLOC_018106	HIST1H2BH	chr6:26251878-26252303	0.419348	0.999791
XLOC_019036	XLOC_019036	DDO	chr6:110713382-110736753	0.41993	1
XLOC_017128	XLOC_017128	LOC257396	chr5:52405686-52410952	0.420107	0.999791
XLOC_017114	XLOC_017114	C7	chr5:40909598-40983042	0.420189	1
XLOC_004555	XLOC_004555	SCN4B	chr11:118004091-118023630	0.420611	1
XLOC_016692	XLOC_016692	LOC100505912	chr4:22328989-22341289	0.42074	1
XLOC_009888	XLOC_009888	LOC653653	chr17:58179120-58180280	0.421025	1
XLOC_005067	XLOC_005067	EID3	chr12:104609556-104744085	0.421148	1
XLOC_016652	XLOC_016652	CRMP1	chr4:5822490-5894785	0.421308	0.886909
XLOC_005332	XLOC_005332	C12orf69	chr12:14956505-14976791	0.421824	1
XLOC_011436	XLOC_011436	CCDC151	chr19:11531271-11545980	0.421919	0.999791
XLOC_009298	XLOC_009298	AANAT	chr17:74449432-74466199	0.422607	1
XLOC_004791	XLOC_004791	TSPAN11	chr12:31079837-31149537	0.422906	1
XLOC_005869	XLOC_005869	VWA8-AS1	chr13:42535304-42555701	0.423724	1
XLOC_005748	XLOC_005748	OASL	chr12:121458094-121477045	0.424355	1
XLOC_024181	XLOC_024181	ARHGAP4	chrX:153172829-153191714	0.424502	1
XLOC_010003	XLOC_010003	SOCS3	chr17:76352858-76356158	0.425071	0.3419
XLOC_023092	XLOC_023092	FAM102A	chr9:130702860-130742812	0.425081	0.313279
XLOC_014502	XLOC_014502	CCDC157	chr22:30727976-30773894	0.425237	0.999791
XLOC_003661	XLOC_003661	CARNS1	chr11:67183148-67193078	0.425483	1
XLOC_015017	XLOC_015017	VILL	chr3:38035077-38048676	0.425492	1
XLOC_009146	XLOC_009146	HOXB-AS5	chr17:46800541-46802119	0.425493	0.999791
XLOC_004500	XLOC_004500	CASP4	chr11:104813593-104839325	0.425776	0.268623
XLOC_015254	XLOC_015254	TMPRSS7	chr3:111758464-111800116	0.426028	1
XLOC_012488	XLOC_012488	SCN2A	chr2:166095911-166248820	0.426177	1
XLOC_015082	XLOC_015082	TMIE	chr3:46742822-46752413	0.426364	1
XLOC_020763	XLOC_020763	LRGUK	chr7:133812104-133948933	0.426384	1
XLOC_002900	XLOC_002900	C10orf25	chr10:45493145-45500777	0.426919	0.999791
XLOC_008029	XLOC_008029	SNX29P2	chr16:29313607-29376380	0.427316	1
XLOC_018746	XLOC_018746	IER3	chr6:30710975-30712327	0.428985	0.372926
XLOC_007177	XLOC_007177	MAP1A	chr15:43663312-43910998	0.429434	1
XLOC_007909	XLOC_007909	FLJ39639	chr16:3313767-3317566	0.430502	1
XLOC_007755	XLOC_007755	WDR73	chr15:85186011-85197521	0.430689	0.415668
XLOC_005270	XLOC_005270	LOC389634	chr12:8509559-8543348	0.430717	0.999791
XLOC_016645	XLOC_016645	FAM86EP	chr4:3943668-3957148	0.430791	0.999791
XLOC_013390	XLOC_013390	AP1S3	chr2:224620046-224702319	0.430815	1
XLOC_002852	XLOC_002852	PRTFDC1	chr10:25137553-25241533	0.431244	0.598908
XLOC_018732	XLOC_018732	ZNRD1-AS1	chr6:29968787-30028961	0.431357	0.999791
XLOC_021714	XLOC_021714	TRHR	chr8:110099652-110131812	0.431725	1
XLOC_012935	XLOC_012935	TMEM17	chr2:62727355-62733604	0.43254	0.999791
XLOC_002715	XLOC_002715	ENO4	chr10:118609022-118642112	0.432729	1
XLOC_018615	XLOC_018615	SERPINB1	chr6:2832565-2842283	0.432885	0.244149
XLOC_015362	XLOC_015362	MRAS	chr3:138066489-138124377	0.433032	0.886909
XLOC_002684	XLOC_002684	CCDC147	chr10:106113521-106214848	0.433088	0.999791
XLOC_004075	XLOC_004075	SNORD97	chr11:10818592-10830582	0.433298	0.999791
XLOC_018935	XLOC_018935	KLHL31	chr6:53512698-53530506	0.433635	1
XLOC_018264	XLOC_018264	MAPK13	chr6:36098260-36112301	0.434513	0.193759
XLOC_000290	XLOC_000290	DNALI1	chr1:38022519-38061586	0.435097	1
XLOC_021085	XLOC_021085	LOC441242	chr7:65111923-65235797	0.437453	1
XLOC_022233	XLOC_022233	OPLAH	chr8:145106166-145115584	0.437505	0.167476
XLOC_017853	XLOC_017853	HBEGF	chr5:139712427-139726188	0.43838	0.244149
XLOC_004649	XLOC_004649	CACNA1C	chr12:2162415-2807115	0.438631	1
XLOC_018709	XLOC_018709	TOB2P1	chr6:28183115-28186707	0.439127	0.999791
XLOC_012104	XLOC_012104	KRTCAP3	chr2:27665232-27712571	0.439668	0.999791
XLOC_015032	XLOC_015032	SNORA62	chr3:39448203-39454032	0.439919	0.999791
XLOC_000937	XLOC_000937	OCLM	chr1:185703682-186446655	0.440128	1
XLOC_001689	XLOC_001689	TAF13	chr1:109606997-109618624	0.440437	0.914868
XLOC_012180	XLOC_012180	CHAC2	chr2:53897116-54087170	0.440543	0.999791
XLOC_017427	XLOC_017427	MYOZ3	chr5:150040402-150058930	0.440938	1
XLOC_013193	XLOC_013193	CCDC148	chr2:159023161-159313265	0.441033	1
XLOC_021040	XLOC_021040	NPC1L1	chr7:44552134-44580914	0.441996	1
XLOC_016032	XLOC_016032	VEPH1	chr3:156977531-157221415	0.44201	0.999791
XLOC_012956	XLOC_012956	GFPT1	chr2:69546900-69614386	0.442897	0.216036
XLOC_006855	XLOC_006855	GPX2	chr14:65381078-65569413	0.443061	1
XLOC_005107	XLOC_005107	ADAM1A	chr12:112336866-112339706	0.443112	0.999791
XLOC_008037	XLOC_008037	PRRT2	chr16:29823408-29827202	0.443497	1
XLOC_016259	XLOC_016259	PACRGL	chr4:20702035-20729980	0.443604	0.886909
XLOC_020879	XLOC_020879	EN2	chr7:155250823-155257526	0.444138	1
XLOC_016285	XLOC_016285	LIAS	chr4:39460664-39479271	0.44439	0.372926
XLOC_006743	XLOC_006743	CBLN3	chr14:24895739-24898731	0.444781	1
XLOC_010354	XLOC_010354	HDHD2	chr18:44633780-44676871	0.444962	0.485083
XLOC_010456	XLOC_010456	APC2	chr19:1450147-1479228	0.444968	0.999791
XLOC_022677	XLOC_022677	C8G	chr9:139839697-139841426	0.445314	1
XLOC_009443	XLOC_009443	LOC100506713	chr17:6888441-6915653	0.445868	0.999791
XLOC_010674	XLOC_010674	ANKLE1	chr19:17392453-17398454	0.445875	0.999791
XLOC_002799	XLOC_002799	ASB13	chr10:5680819-5708558	0.445974	0.244149
XLOC_009945	XLOC_009945	CPSF4L	chr17:71228775-71258019	0.446019	1

XLOC_013320	XLOC_013320	GCSHP3	chr2:206980296-206981296	0.446462	0.999791
XLOC_008536	XLOC_008536	PRSS36	chr16:31150246-31161415	0.446514	0.999791
XLOC_010484	XLOC_010484	C19orf71	chr19:3538262-3557571	0.446609	0.999791
XLOC_023851	XLOC_023851	PRAF2	chrX:48928817-48931662	0.446758	0.999791
XLOC_015764	XLOC_015764	ITIH4	chr3:52847005-52864717	0.447435	1
XLOC_020865	XLOC_020865	CHPF2	chr7:150929584-150935905	0.447649	0.999791
XLOC_023022	XLOC_023022	WDR31	chr9:116077930-116102620	0.447792	0.999791
XLOC_010185	XLOC_010185	SETBP1	chr18:42260137-42648475	0.449017	1
XLOC_016631	XLOC_016631	FAM53A	chr4:1641607-1685988	0.449598	0.910882
XLOC_020493	XLOC_020493	ZNF713	chr7:55980330-56008433	0.449899	1
XLOC_005233	XLOC_005233	AKAP3	chr12:4724675-4754343	0.450122	1
XLOC_018642	XLOC_018642	MAK	chr6:10762955-10838788	0.450181	1
XLOC_016441	XLOC_016441	LOC100507053	chr4:100010007-100222513	0.450247	1
XLOC_011197	XLOC_011197	RFPL4A	chr19:56270506-56274541	0.450646	1
XLOC_018791	XLOC_018791	GPSM3,NOTCH4	chr6:32158542-32191844	0.450695	1
XLOC_023012	XLOC_023012	PTBP3	chr9:114758831-115112545	0.45074	0.596581
XLOC_012736	XLOC_012736	TRAF3IP1	chr2:239229184-239309541	0.450964	0.638821
XLOC_006944	XLOC_006944	C14orf142	chr14:93669236-93695561	0.451099	0.999791
XLOC_018249	XLOC_018249	PACSIN1	chr6:34433837-34503000	0.451694	1
XLOC_012616	XLOC_012616	CCNYL1	chr2:208576263-208620896	0.452074	0.998026
XLOC_009110	XLOC_009110	HIGD1B	chr17:42923720-42976993	0.452141	1
XLOC_011823	XLOC_011823	LHB	chr19:49519236-49520347	0.452973	0.999791
XLOC_015880	XLOC_015880	ZNF80	chr3:113953479-113956425	0.45313	1
XLOC_006631	XLOC_006631	DYNC1H1	chr14:102430864-102517135	0.45324	0.22936
XLOC_010172	XLOC_010172	ZNF397	chr18:32820993-32870196	0.453252	0.999791
XLOC_008714	XLOC_008714	C16orf95	chr16:87336403-87351026	0.453256	0.999791
XLOC_005770	XLOC_005770	CDK2AP1	chr12:123745516-123756863	0.453861	0.153855
XLOC_020919	XLOC_020919	RNF216-IT1	chr7:5659671-5821361	0.453968	1
XLOC_020596	XLOC_020596	C7orf63	chr7:89874487-89940377	0.454067	0.999791
XLOC_003114	XLOC_003114	C10orf95	chr10:104209573-104216050	0.454511	0.999791
XLOC_023089	XLOC_023089	ST6GALNAC4	chr9:130670164-130679305	0.454826	0.212044
XLOC_007943	XLOC_007943	SNX29	chr16:12070601-12668146	0.455268	0.934472
XLOC_022203	XLOC_022203	ARC	chr8:143692404-143695833	0.455338	0.64943
XLOC_004795	XLOC_004795	METTLL20	chr12:31800093-31822016	0.455364	0.999791
XLOC_010059	XLOC_010059	SECTM1	chr17:80278899-80291921	0.455399	0.564963
XLOC_016423	XLOC_016423	PKD2	chr4:88928798-88998931	0.455813	0.529851
XLOC_012624	XLOC_012624	CPS1	chr2:211342405-211543831	0.455959	0.999791
XLOC_011999	XLOC_011999	ZNF417	chr19:58417141-58427978	0.456211	0.999791
XLOC_014757	XLOC_014757	LIF	chr22:30636435-30642840	0.457469	0.184583
XLOC_009248	XLOC_009248	LOC440461	chr17:66194800-66196443	0.458572	1
XLOC_002401	XLOC_002401	ZEB1	chr10:31608100-31818742	0.459925	0.22936
XLOC_008523	XLOC_008523	ZNF785	chr16:30591993-30597092	0.460118	0.993188
XLOC_013998	XLOC_013998	WFDC3	chr20:44402846-44420547	0.460344	1
XLOC_018786	XLOC_018786	PRRT1	chr6:32116139-32119720	0.460392	0.999791
XLOC_001009	XLOC_001009	DYRK3	chr1:206808880-206822542	0.461528	0.207365
XLOC_010401	XLOC_010401	TMX3	chr18:66340924-66382353	0.461826	0.186588
XLOC_014914	XLOC_014914	RABL2B	chr22:51195513-51238065	0.462117	0.797576
XLOC_000817	XLOC_000817	SLAMF7	chr1:160709076-160724601	0.462147	1
XLOC_020400	XLOC_020400	STK31	chr7:23749785-23872130	0.462365	1
XLOC_011622	XLOC_011622	ZFP82	chr19:36882860-36909550	0.462739	1
XLOC_023829	XLOC_023829	CXorf31	chrX:46746853-46759139	0.46281	1
XLOC_016162	XLOC_016162	PDE6B	chr4:619362-664681	0.463239	1
XLOC_004559	XLOC_004559	MPZL2	chr11:118124130-118135251	0.463284	1
XLOC_018476	XLOC_018476	PKIB	chr6:122793061-123047518	0.463347	1
XLOC_000115	XLOC_000115	FHAD1	chr1:15573767-15724622	0.463685	0.418208
XLOC_015436	XLOC_015436	EGFEM1P	chr3:167967309-168548374	0.463962	1
XLOC_011263	XLOC_011263	ODF3L2	chr19:463345-474983	0.464008	0.999791
XLOC_014350	XLOC_014350	WDR4	chr21:44263189-44299699	0.464313	0.519342
XLOC_008352	XLOC_008352	NOXO1	chr16:2028917-2031550	0.464676	1
XLOC_002115	XLOC_002115	SYT2	chr1:202559724-202679551	0.465003	1
XLOC_010422	XLOC_010422	TPGS1	chr19:507496-519654	0.46568	0.857467
XLOC_002288	XLOC_002288	C1orf229	chr1:247273461-247275719	0.465788	0.999791
XLOC_015580	XLOC_015580	TMEM40	chr3:12775391-12800808	0.466737	1
XLOC_013042	XLOC_013042	GPAT2	chr2:96676298-96700727	0.466793	1
XLOC_017011	XLOC_017011	AGA	chr4:178351928-178363657	0.467428	0.811106
XLOC_011471	XLOC_011471	CACNA1A	chr19:13317255-13617274	0.467714	1
XLOC_016444	XLOC_016444	DAPP1	chr4:100737980-100791346	0.46783	1
XLOC_003841	XLOC_003841	IL10RA	chr11:117857105-117872199	0.468703	1
XLOC_017426	XLOC_017426	SYNPO	chr5:149980641-150038792	0.46888	0.999791
XLOC_022628	XLOC_022628	C9orf9	chr9:135754289-135765418	0.469166	0.886909
XLOC_002057	XLOC_002057	LOC100527964	chr1:180199432-180244188	0.46993	0.999791
XLOC_002194	XLOC_002194	AURKAPS1	chr1:220321609-220445843	0.470204	0.999791
XLOC_020994	XLOC_020994	GGT2	chr7:30536236-30544457	0.47036	0.155119
XLOC_014025	XLOC_014025	FAM65C	chr20:49202646-49253426	0.470767	1
XLOC_005099	XLOC_005099	TCTN1	chr12:111051831-111127617	0.47086	0.411018
XLOC_008993	XLOC_008993	SLFN5	chr17:33570085-33594761	0.471002	0.832462
XLOC_000047	XLOC_000047	LOC100133612	chr17:3816967-3832011	0.471348	1
XLOC_003108	XLOC_003108	KCNIP2	chr10:103578824-103603677	0.471479	1
XLOC_010909	XLOC_010909	ZNF221	chr19:44455396-44471752	0.4718	1

XLOC_015113	XLOC_015113	GNAT1	chr3:50229042-50235129	0.471864	1
XLOC_017916	XLOC_017916	C5orf4	chr5:154198051-154230213	0.472012	1
XLOC_023464	XLOC_023464	ITGB1BP2	chrX:70430034-70948962	0.472238	0.999791
XLOC_009419	XLOC_009419	VMO1	chr17:4688579-4689729	0.47257	0.999791
XLOC_010828	XLOC_010828	SIPA1L3	chr19:38397867-38699008	0.472899	0.292267
XLOC_018463	XLOC_018463	RSPH4A	chr6:116937641-116954148	0.473419	1
XLOC_013485	XLOC_013485	SDCBP2-AS1	chr20:1290554-1373816	0.473655	1
XLOC_015668	XLOC_015668	LRRC2	chr3:46556877-46608040	0.473958	1
XLOC_011507	XLOC_011507	CYP4F11	chr19:16023179-16045676	0.474059	1
XLOC_018017	XLOC_018017	SNORD95	chr5:180663927-180670906	0.474127	0.999791
XLOC_000894	XLOC_000894	RABGAP1L	chr1:174128551-174964445	0.474943	0.999791
XLOC_000732	XLOC_000732	NPR1	chr1:153651163-153666468	0.475302	1
XLOC_009606	XLOC_009606	ARGFXP2	chr17:30469472-30552746	0.475401	1
XLOC_003199	XLOC_003199	BNIP3	chr10:133781203-133795435	0.475514	1
XLOC_006197	XLOC_006197	GPR183	chr13:99848627-100058554	0.475617	1
XLOC_015908	XLOC_015908	ADCY5	chr3:123001142-123167392	0.475892	1
XLOC_020572	XLOC_020572	UPK3B	chr7:76139744-76157199	0.476021	0.999791
XLOC_022376	XLOC_022376	ANKRD20A1,ANKRD20A3	chr9:67926760-67970293	0.476253	1
XLOC_006859	XLOC_006859	FUT8-AS1	chr14:65877309-66210839	0.476383	1
XLOC_012319	XLOC_012319	LOC100506123	chr2:97948228-97957632	0.476526	0.910882
XLOC_012143	XLOC_012143	RMDN2	chr2:38152461-38294285	0.476531	1
XLOC_021785	XLOC_021785	MAPK15	chr8:144798506-144804633	0.476572	0.774655
XLOC_008692	XLOC_008692	C16orf46	chr16:81087101-81110872	0.476668	0.999791
XLOC_009510	XLOC_009510	COX10-AS1	chr17:13932608-14111996	0.476749	0.999791
XLOC_021201	XLOC_021201	MCM7	chr7:99690403-99723128	0.47726	0.471351
XLOC_004703	XLOC_004703	NANOG	chr12:7941994-7948655	0.477385	1
XLOC_006661	XLOC_006661	C14orf79	chr14:105452615-105461855	0.478139	0.430859
XLOC_002696	XLOC_002696	ACSL5	chr10:114133915-114188138	0.478205	1
XLOC_010989	XLOC_010989	LOC100505812	chr19:48711342-48761450	0.478236	0.999791
XLOC_007187	XLOC_007187	TRIM69	chr15:45028559-45060025	0.478588	1
XLOC_015219	XLOC_015219	ST3GAL6	chr3:98433176-98514689	0.478679	1
XLOC_007021	XLOC_007021	PAR5	chr15:25230006-25233379	0.479514	1
XLOC_001919	XLOC_001919	SH2D2A	chr1:156776034-156851642	0.480257	0.910882
XLOC_023859	XLOC_023859	LOC158572	chrX:49641326-49643959	0.480474	1
XLOC_023950	XLOC_023950	TTC3P1	chrX:74960372-74962914	0.480478	1
XLOC_017852	XLOC_017852	PFDN1	chr5:139624634-139682689	0.4819	0.0760821
XLOC_003893	XLOC_003893	SPA17	chr11:124492741-124564687	0.481935	0.999791
XLOC_003645	XLOC_003645	BBS1	chr11:66278118-66301084	0.481975	0.372926
XLOC_011806	XLOC_011806	TMEM143	chr19:48835615-48867186	0.481993	0.790746
XLOC_005615	XLOC_005615	LOC728084	chr12:89404902-89413469	0.481998	1
XLOC_014428	XLOC_014428	AIFM3	chr22:21319417-21335649	0.482063	0.999791
XLOC_011723	XLOC_011723	PSG9	chr19:43757434-43773682	0.482195	1
XLOC_016933	XLOC_016933	SLC7A11	chr4:138948576-139163503	0.482792	0.648523
XLOC_002089	XLOC_002089	F13B	chr1:197008320-197036397	0.484197	1
XLOC_008285	XLOC_008285	SNAI3-AS1	chr16:88729780-88753594	0.484276	0.999791
XLOC_021391	XLOC_021391	ACTR3C	chr7:149944300-150035245	0.484368	0.999791
XLOC_000025	XLOC_000025	ATAD3B	chr1:1407163-1431582	0.484665	0.111388
XLOC_015236	XLOC_015236	LOC152225	chr3:101659702-101716770	0.48471	0.240259
XLOC_021486	XLOC_021486	NAT2	chr8:18248754-18258723	0.484983	1
XLOC_021098	XLOC_021098	STAG3L3	chr7:72467988-72476448	0.485166	0.999791
XLOC_017381	XLOC_017381	PCDHB12	chr5:140588290-140591698	0.485308	1
XLOC_000672	XLOC_000672	C1orf54	chr1:150245182-150253335	0.485409	0.999791
XLOC_015868	XLOC_015868	BTLA	chr3:112182812-112218408	0.485908	1
XLOC_020345	XLOC_020345	IQCE	chr7:2598631-2654368	0.486288	0.735322
XLOC_014418	XLOC_014418	LOC150197	chr22:20193854-20196060	0.48683	1
XLOC_021385	XLOC_021385	ZNF425	chr7:148799877-148823438	0.487225	0.999791
XLOC_015304	XLOC_015304	FAM86JP	chr3:125635443-125655887	0.487292	0.999791
XLOC_006782	XLOC_006782	LOC100288846	chr14:39734475-39820397	0.487586	0.999791
XLOC_007557	XLOC_007557	PATL2	chr15:44957929-44969086	0.488168	1
XLOC_007646	XLOC_007646	SCARNA14	chr15:66629007-66649054	0.488865	0.999791
XLOC_011002	XLOC_011002	FGF21	chr19:49259343-49261582	0.488928	1
XLOC_010424	XLOC_010424	GZMM	chr19:544033-549920	0.489202	1
XLOC_023376	XLOC_023376	ERAS	chrX:48684922-48688279	0.489349	1
XLOC_018663	XLOC_018663	DCDC2	chr6:24171982-24383520	0.4898	0.914868
XLOC_010721	XLOC_010721	ZNF90	chr19:20188802-20231977	0.490186	1
XLOC_004945	XLOC_004945	KIF5A	chr12:57943846-57978554	0.490425	1
XLOC_003718	XLOC_003718	SNORD15A	chr11:75110534-75133345	0.490961	0.999791
XLOC_014329	XLOC_014329	BRWD1-IT2	chr21:40685860-40686888	0.491085	0.999791
XLOC_003658	XLOC_003658	LOC100130987	chr11:67085309-67159158	0.491451	0.999791
XLOC_014822	XLOC_014822	LOC400927	chr22:38740669-38794931	0.492789	0.999791
XLOC_006287	XLOC_006287	DHRS2	chr14:24105572-24114848	0.493158	1
XLOC_000035	XLOC_000035	PLCH2	chr1:2407753-2436964	0.493411	1
XLOC_002165	XLOC_002165	LAMB3	chr1:209788217-209825820	0.493415	0.119609
XLOC_004746	XLOC_004746	EMP1	chr12:13349601-13369708	0.493721	0.0833451
XLOC_016603	XLOC_016603	CYP4V2	chr4:187112673-187134617	0.494773	0.777779
XLOC_005658	XLOC_005658	LINC00485	chr12:103203060-103218177	0.495137	1
XLOC_022475	XLOC_022475	SEC61B	chr9:101984569-101992901	0.495272	0.0501483
XLOC_008657	XLOC_008657	HYDIN	chr16:70841286-71264625	0.495328	1
XLOC_012696	XLOC_012696	ARMC9	chr2:232063293-232238606	0.496842	0.638821

XLOC_020959	XLOC_020959	FAM126A	chr7:22980877-23053770	0.497369	1
XLOC_005803	XLOC_005803	IFT88	chr13:21141207-21265576	0.498282	0.886909
XLOC_017371	XLOC_017371	PCDHB4	chr5:140501580-140505201	0.498924	1
XLOC_013963	XLOC_013963	KIAA1755	chr20:36838906-36889174	0.499294	0.415668
XLOC_003981	XLOC_003981	CARS	chr11:3022151-3078681	0.499615	0.175333
XLOC_015937	XLOC_015937	LOC653712	chr3:128580350-128590384	0.500411	1
XLOC_002914	XLOC_002914	BMS1P6	chr10:47225570-47243511	0.50091	1
XLOC_006932	XLOC_006932	GPR68	chr14:91698875-91720224	0.501	1
XLOC_017418	XLOC_017418	ARHGEF37	chr5:148961134-149014527	0.501172	0.999791
XLOC_010547	XLOC_010547	TGFBR3L	chr19:7981031-7983980	0.501508	0.999791
XLOC_011828	XLOC_011828	CGB8	chr19:49550894-49552368	0.502504	0.999791
XLOC_002097	XLOC_002097	SMIM16	chr1:200311671-200342920	0.502516	1
XLOC_011979	XLOC_011979	NLRP11	chr19:56296762-56393220	0.502971	1
XLOC_014984	XLOC_014984	UBE2E1	chr3:23847383-23933131	0.503394	0.102278
XLOC_005970	XLOC_005970	CLYBL	chr13:100258918-100549388	0.503786	0.989431
XLOC_004943	XLOC_004943	MARS	chr12:57881735-57914300	0.504093	0.999791
XLOC_021922	XLOC_021922	PNMA2	chr8:26362195-26371483	0.504544	1
XLOC_015813	XLOC_015813	FRMD4B	chr3:69219145-69435430	0.504595	1
XLOC_001624	XLOC_001624	C1orf180	chr1:85093912-85100703	0.505563	1
XLOC_022404	XLOC_022404	PSAT1	chr9:80912058-80945009	0.505767	0.244149
XLOC_001297	XLOC_001297	ARHGEF19	chr1:16524598-16539104	0.507002	0.141773
XLOC_009213	XLOC_009213	TBX2	chr17:59477256-59486827	0.507236	1
XLOC_012010	XLOC_012010	ZNF132	chr19:58944180-58951589	0.507358	1
XLOC_009244	XLOC_009244	SNORA38B	chr17:65714060-65740266	0.507935	1
XLOC_022410	XLOC_022410	IDNK	chr9:86237963-86259045	0.50817	0.956701
XLOC_002957	XLOC_002957	EGR2	chr10:64571755-64578927	0.508503	1
XLOC_012277	XLOC_012277	VAMP5	chr2:85811530-85820511	0.508705	1
XLOC_006851	XLOC_006851	ESR2	chr14:64693750-64805268	0.508764	1
XLOC_017467	XLOC_017467	FBLL1	chr5:167956581-167957639	0.508902	1
XLOC_008074	XLOC_008074	ITGAX	chr16:31366508-31394318	0.508957	0.774655
XLOC_011179	XLOC_011179	FCAR	chr19:55385548-55401839	0.509245	1
XLOC_003360	XLOC_003360	SPTY2D1-AS1	chr11:18621350-18656020	0.509581	1
XLOC_013188	XLOC_013188	NR4A2	chr2:157180943-157189287	0.510057	0.999791
XLOC_004767	XLOC_004767	IAPP	chr12:21417533-21548371	0.510232	1
XLOC_010019	XLOC_010019	LOC100294362	chr17:78234659-78411884	0.510532	1
XLOC_017372	XLOC_017372	PCDHB5	chr5:140514799-140517704	0.511563	1
XLOC_005832	XLOC_005832	ATP5EP2	chr13:28519342-28519710	0.511571	0.999791
XLOC_000667	XLOC_000667	HIST2H2AC	chr1:149858524-149858961	0.512025	0.999791
XLOC_010717	XLOC_010717	CILP2	chr19:19649073-19657468	0.512385	1
XLOC_001969	XLOC_001969	ARHGAP30	chr1:161016731-161039760	0.512572	1
XLOC_013716	XLOC_013716	LOC284751	chr20:48909256-48931456	0.512866	0.999791
XLOC_010655	XLOC_010655	UCA1	chr19:15939756-15947131	0.514145	0.146412
XLOC_002025	XLOC_002025	TNFSF4	chr1:173152869-173176471	0.514854	1
XLOC_005376	XLOC_005376	H3F3C	chr12:31944118-31945175	0.515961	1
XLOC_001686	XLOC_001686	AKNAD1	chr1:109358519-109401146	0.51662	1
XLOC_004056	XLOC_004056	STK33	chr11:8413417-8615503	0.516935	1
XLOC_016378	XLOC_016378	EPGN	chr4:75174186-75182520	0.517024	1
XLOC_010954	XLOC_010954	IGFL2	chr19:46651038-46664561	0.517303	1
XLOC_009549	XLOC_009549	MFAP4	chr17:19240866-19290532	0.518334	1
XLOC_018583	XLOC_018583	PNLDC1	chr6:160221300-160241735	0.519004	1
XLOC_002814	XLOC_002814	PROSER2-AS1	chr10:11865396-11936709	0.5192	1
XLOC_003321	XLOC_003321	TMEM9B-AS1	chr11:8986221-8997830	0.519228	0.999791
XLOC_018402	XLOC_018402	C6orf163	chr6:88054570-88075181	0.519432	1
XLOC_021893	XLOC_021893	PSD3	chr8:18384812-18871196	0.519882	1
XLOC_003117	XLOC_003117	CYP17A1	chr10:104590287-104597290	0.520629	1
XLOC_006293	XLOC_006293	PCK2	chr14:24563482-24573339	0.521352	0.06575
XLOC_021643	XLOC_021643	HNF4G	chr8:76452202-76479061	0.521642	0.956701
XLOC_008262	XLOC_008262	ATP2C2	chr16:84402132-84497793	0.522047	1
XLOC_009093	XLOC_009093	ARL4D	chr17:41476352-41478504	0.522276	1
XLOC_014048	XLOC_014048	PPP4R1L	chr20:56807832-56884495	0.522417	1
XLOC_015077	XLOC_015077	CCRL2	chr3:46448720-46451014	0.523663	0.873023
XLOC_006862	XLOC_006862	TMEM229B	chr14:67936982-67982021	0.523942	0.999791
XLOC_017204	XLOC_017204	ZBED3-AS1	chr5:76372531-76444176	0.523957	1
XLOC_015677	XLOC_015677	KIF9	chr3:47205859-47388306	0.524621	0.999791
XLOC_008792	XLOC_008792	LOC339166	chr17:5675553-5834016	0.525424	1
XLOC_022219	XLOC_022219	NAPRT1	chr8:144656954-144660513	0.52574	0.0501483
XLOC_007796	XLOC_007796	FLJ42289	chr15:100884661-100890923	0.5258	1
XLOC_010961	XLOC_010961	FKRP	chr19:47222767-47261832	0.526278	0.999791
XLOC_017755	XLOC_017755	ST8SIA4	chr5:100142638-100238987	0.526342	1
XLOC_010716	XLOC_010716	YJEFN3	chr19:19639669-19648393	0.526513	0.993188
XLOC_011378	XLOC_011378	CTXN1	chr19:7989380-7991051	0.52722	0.233114
XLOC_007109	XLOC_007109	APBA2	chr15:29213839-294110516	0.527494	1
XLOC_018620	XLOC_018620	HTATSF1P2	chr6:3020389-3025005	0.527865	0.266483
XLOC_001775	XLOC_001775	FMO5	chr1:146655883-146697230	0.529018	1
XLOC_010591	XLOC_010591	C19orf80	chr19:11309968-11373168	0.52923	1
XLOC_002159	XLOC_002159	C1orf116	chr1:207191865-207206101	0.529236	1
XLOC_014015	XLOC_014015	SULF2	chr20:46286149-46415360	0.529353	1
XLOC_008274	XLOC_008274	FLJ30679	chr16:86588925-86590905	0.529642	1
XLOC_017684	XLOC_017684	LOC100272216	chr5:68926979-68929028	0.530368	1

XLOC_001661	XLOC_001661	ABCA4	chr1:94458393-94586705	0.530809	1
XLOC_022672	XLOC_022672	C9orf172	chr9:139738866-139741797	0.531255	0.999791
XLOC_017991	XLOC_017991	AACSP1	chr5:178191863-178203277	0.531737	0.993188
XLOC_011357	XLOC_011357	DENND1C	chr19:6464259-6481798	0.531792	1
XLOC_013350	XLOC_013350	MREG	chr2:216807313-216878346	0.532504	0.171442
XLOC_016795	XLOC_016795	RCHY1	chr4:76404246-76439640	0.532855	0.0760821
XLOC_020920	XLOC_020920	RSPH10B	chr7:5965776-6010314	0.53356	1
XLOC_020941	XLOC_020941	ISPD	chr7:16127151-16460947	0.533569	1
XLOC_023325	XLOC_023325	XK	chrX:37545132-37591383	0.533801	0.956701
XLOC_017345	XLOC_017345	EGR1	chr5:137801180-137805004	0.533876	0.0961594
XLOC_021211	XLOC_021211	ZCWPW1	chr7:99998494-100031749	0.534139	0.999791
XLOC_015188	XLOC_015188	EBLN2	chr3:73046118-73115011	0.534318	1
XLOC_023697	XLOC_023697	SRPK3	chrX:153046455-153051187	0.53449	1
XLOC_020533	XLOC_020533	LOC541473	chr7:72440191-72443668	0.535419	0.999791
XLOC_022520	XLOC_022520	ORM1	chr9:117085302-117088759	0.535594	1
XLOC_001822	XLOC_001822	RORC	chr1:151778546-151804348	0.536527	1
XLOC_002964	XLOC_002964	PBLD	chr10:70042416-70102953	0.536858	0.999791
XLOC_008783	XLOC_008783	RNF167	chr17:4843629-4848517	0.537001	0.0501483
XLOC_014439	XLOC_014439	CCDC116	chr22:21987085-21991616	0.537001	1
XLOC_002073	XLOC_002073	GLT25D2	chr1:183904965-184006863	0.537118	0.873023
XLOC_007814	XLOC_007814	HBA1	chr16:226678-227520	0.53725	0.999791
XLOC_014385	XLOC_014385	SPATC1L	chr21:47581061-47604373	0.53778	1
XLOC_002761	XLOC_002761	CTAGE7P	chr10:131862161-131909081	0.537975	1
XLOC_013114	XLOC_013114	DDX11L2	chr2:114341229-114361294	0.538347	0.999791
XLOC_012396	XLOC_012396	RABL2A	chr2:114384816-114400975	0.538639	0.886909
XLOC_012433	XLOC_012433	ARHGEF4	chr2:131674223-131804836	0.538914	1
XLOC_001772	XLOC_001772	NBPF11,NBPF24	chr1:146032541-146082765	0.538966	1
XLOC_007572	XLOC_007572	HDC	chr15:50534145-50558162	0.53898	1
XLOC_011815	XLOC_011815	RASIP1	chr19:49223841-49243970	0.539333	1
XLOC_002264	XLOC_002264	LGALS8-AS1	chr1:236681513-236767841	0.539343	0.999791
XLOC_013290	XLOC_013290	LOC100130452	chr2:197504355-197597530	0.539879	1
XLOC_000592	XLOC_000592	LOC100506343	chr1:112264685-112310199	0.540188	1
XLOC_003342	XLOC_003342	SPON1	chr1:113984183-14289679	0.54067	1
XLOC_016491	XLOC_016491	BBS12	chr4:123653856-123666098	0.540808	0.744522
XLOC_002310	XLOC_002310	SH3BP5L	chr1:249104650-249120154	0.541101	0.0961594
XLOC_006827	XLOC_006827	LINC00520	chr14:56247852-56263392	0.541326	1
XLOC_007957	XLOC_007957	C16orf45	chr16:15528324-15682116	0.541962	1
XLOC_010479	XLOC_010479	S1PR4	chr19:3178735-3180330	0.543076	1
XLOC_017637	XLOC_017637	LOC100132356	chr5:43065288-43067073	0.543117	1
XLOC_007139	XLOC_007139	LOC100131089	chr15:40331511-40359710	0.543472	0.999791
XLOC_009723	XLOC_009723	KRT19	chr17:39679868-39684641	0.543745	1
XLOC_013031	XLOC_013031	KRCC1	chr2:88326723-88355248	0.544752	0.430859
XLOC_002737	XLOC_002737	DMBT1	chr10:124320180-124403252	0.544836	1
XLOC_011661	XLOC_011661	LRFN1	chr19:39797456-39805976	0.545565	1
XLOC_007928	XLOC_007928	NAGPA-AS1	chr16:5074844-5092972	0.545954	1
XLOC_013240	XLOC_013240	CHN1	chr2:175664041-175870107	0.546047	1
XLOC_004502	XLOC_004502	CASP1	chr1:104896236-104905884	0.546274	1
XLOC_011748	XLOC_011748	NKPD1	chr19:45653007-45663408	0.546411	1
XLOC_002515	XLOC_002515	FAM149B1	chr10:74927876-75001939	0.546777	0.403332
XLOC_007192	XLOC_007192	SLC28A2	chr15:45544427-45568132	0.54718	1
XLOC_001025	XLOC_001025	G0S2	chr1:209848669-209849735	0.548331	0.0501483
XLOC_011739	XLOC_011739	ZNF235	chr19:44790500-44809178	0.548382	0.999791
XLOC_001176	XLOC_001176	ZNF672	chr1:249132529-249143714	0.548489	0.0760821
XLOC_009435	XLOC_009435	NLRP1	chr17:5404718-5487832	0.548517	0.910882
XLOC_020927	XLOC_020927	GRID2IP	chr7:6536408-6591067	0.549151	1
XLOC_023127	XLOC_023127	AK8	chr9:135600964-135754198	0.549305	0.999791
XLOC_004057	XLOC_004057	TRIM66	chr11:8633583-8680383	0.549429	0.430859
XLOC_021207	XLOC_021207	GAL3ST4	chr7:99756864-99766373	0.549496	0.999791
XLOC_017995	XLOC_017995	C5orf60	chr5:179068557-179072047	0.54962	1
XLOC_009909	XLOC_009909	CD79B	chr17:62006097-62009704	0.550058	1
XLOC_022956	XLOC_022956	HSD17B3	chr9:98997588-99064434	0.551437	0.999791
XLOC_008106	XLOC_008106	IRX6	chr16:55358470-55364672	0.551792	1
XLOC_007369	XLOC_007369	LOC100505679	chr15:84841241-84850985	0.554208	0.999791
XLOC_007399	XLOC_007399	GDPGP1	chr15:90777486-90785312	0.554406	0.999791
XLOC_001305	XLOC_001305	MST1L	chr1:17081128-17090975	0.555648	0.993188
XLOC_001216	XLOC_001216	MORN1	chr1:2252695-2322993	0.557869	0.999791
XLOC_013991	XLOC_013991	TP53TG5	chr20:43990576-44039250	0.558346	0.999791
XLOC_009613	XLOC_009613	CCT6B	chr17:33254877-3328528	0.559104	0.777779
XLOC_020467	XLOC_020467	AEBP1	chr7:44143959-44154159	0.559852	1
XLOC_021346	XLOC_021346	PARP12	chr7:139723548-139763521	0.559899	0.0728308
XLOC_021908	XLOC_021908	EGR3	chr8:22545173-22550815	0.560444	0.642725
XLOC_013253	XLOC_013253	TTC30B	chr2:178414880-178417524	0.560495	1
XLOC_012230	XLOC_012230	ATP6V1B1	chr2:71162997-71192561	0.560686	1
XLOC_013064	XLOC_013064	TSGA10	chr2:99613723-99771187	0.560974	1
XLOC_002779	XLOC_002779	LOC619207	chr10:135267431-135281953	0.561132	1
XLOC_017860	XLOC_017860	SLC25A2	chr5:140682195-140683612	0.562087	1
XLOC_010853	XLOC_010853	DLL3	chr19:39989556-39999121	0.563436	1
XLOC_005826	XLOC_005826	SNORA27	chr13:27825691-27830702	0.564425	0.999791
XLOC_007283	XLOC_007283	SENP8	chr15:72118360-72433311	0.564472	0.999791

XLOC_009654	XLOC_009654	C17orf98	chr17:36991340-36997642	0.565768	0.999791
XLOC_011928	XLOC_011928	ZNF665	chr19:53666551-53696619	0.565929	1
XLOC_013167	XLOC_013167	LCT	chr2:136545414-136594750	0.568013	1
XLOC_014461	XLOC_014461	GSTT2	chr22:24322313-24326106	0.568757	0.999791
XLOC_004416	XLOC_004416	MAP6	chr11:75297962-75379479	0.568945	1
XLOC_010943	XLOC_010943	FOSB	chr19:45971252-45978437	0.570508	0.186588
XLOC_007742	XLOC_007742	CPEB1	chr15:83211950-83378635	0.570696	1
XLOC_000646	XLOC_000646	PDZK1	chr1:145727665-145764206	0.570864	1
XLOC_001334	XLOC_001334	SH2D5	chr1:21046224-21059133	0.571177	0.967815
XLOC_018095	XLOC_018095	HFE	chr6:26087508-26095469	0.571811	0.86102
XLOC_008259	XLOC_008259	DNAAF1	chr16:84178864-84220676	0.572129	1
XLOC_015505	XLOC_015505	ST6GAL1	chr3:186648314-186796341	0.57271	0.117049
XLOC_018587	XLOC_018587	SLC22A1	chr6:160542862-160579750	0.573202	1
XLOC_004277	XLOC_004277	SNORD22	chr11:62619459-62623360	0.574033	0.999791
XLOC_007924	XLOC_007924	C16orf71	chr16:4746510-4799397	0.57478	1
XLOC_010681	XLOC_010681	FAM129C	chr19:17634109-17664648	0.575255	1
XLOC_021877	XLOC_021877	FAM90A25P	chr8:12272029-12275541	0.575954	0.999791
XLOC_013870	XLOC_013870	SNORD17	chr20:17922243-17949490	0.576404	0.999791
XLOC_010236	XLOC_010236	SERPINB8	chr18:61637262-61656608	0.576732	0.0879628
XLOC_015970	XLOC_015970	NME9	chr3:137906114-138048728	0.578765	1
XLOC_023177	XLOC_023177	LCN15	chr9:139654085-139658965	0.579049	0.999791
XLOC_002938	XLOC_002938	ASAH2	chr10:51946999-52008370	0.57918	1
XLOC_023269	XLOC_023269	RAB9A	chrX:13707239-13727944	0.579421	0.114315
XLOC_020769	XLOC_020769	TMEM140	chr7:134832765-134855578	0.580816	0.999791
XLOC_007512	XLOC_007512	MRPL42P5	chr15:40824082-40824749	0.582193	0.999791
XLOC_016743	XLOC_016743	LNX1	chr4:54326436-54457753	0.582479	1
XLOC_004708	XLOC_004708	FAM66C	chr12:8332804-8353596	0.582696	1
XLOC_020465	XLOC_020465	FLJ35390	chr7:44068485-44083895	0.582969	0.999791
XLOC_003824	XLOC_003824	TTC12	chr11:113185250-113237114	0.583979	0.06575
XLOC_008586	XLOC_008586	MT1G	chr16:56700652-56701977	0.585301	0.999791
XLOC_001138	XLOC_001138	C1orf101	chr1:244624672-244803662	0.585625	1
XLOC_007672	XLOC_007672	CELFB	chr15:72577067-72612525	0.58577	0.866946
XLOC_013923	XLOC_013923	C20orf203	chr20:31219426-31239783	0.586	1
XLOC_006877	XLOC_006877	ADAM20P1	chr14:70935595-70950473	0.586733	1
XLOC_020795	XLOC_020795	TAS2R5	chr7:141490016-141491166	0.586823	0.999791
XLOC_011940	XLOC_011940	TMC4	chr19:54663833-54676944	0.58852	0.999791
XLOC_024173	XLOC_024173	TREX2	chrX:152710177-152711945	0.589483	0.999791
XLOC_009269	XLOC_009269	RAB37	chr17:72667255-72743474	0.589621	1
XLOC_011802	XLOC_011802	PLA2G4C	chr19:48551099-48614109	0.589734	1
XLOC_018795	XLOC_018795	HLA-DRB6	chr6:32520489-32527779	0.59063	1
XLOC_009931	XLOC_009931	SLC16A6	chr17:66255322-66417000	0.59091	0.999791
XLOC_005947	XLOC_005947	RBM26-AS1	chr13:79980443-79998468	0.592886	1
XLOC_023248	XLOC_023248	STS	chrX:7137471-7272682	0.593984	1
XLOC_023519	XLOC_023519	ARMCX4	chrX:100673250-100790975	0.594253	0.754339
XLOC_009595	XLOC_009595	SLC6A4	chr17:28521336-28562986	0.59435	1
XLOC_020843	XLOC_020843	SSPO	chr7:149473130-149531053	0.595746	1
XLOC_005153	XLOC_005153	WDR66	chr12:122356462-122441832	0.596101	1
XLOC_015415	XLOC_015415	LEKR1	chr3:156544095-156763918	0.596717	1
XLOC_001406	XLOC_001406	SDC3	chr1:31342312-31381480	0.596825	0.0501483
XLOC_004357	XLOC_004357	TMEM134	chr11:67231818-67236748	0.59685	0.114315
XLOC_014648	XLOC_014648	KLHDC7B	chr22:50986461-50989452	0.597188	1
XLOC_011750	XLOC_011750	EXOC3L2	chr19:45715878-45737469	0.597974	1
XLOC_006194	XLOC_006194	UBAC2-AS1	chr13:99848627-100058554	0.598075	1
XLOC_009913	XLOC_009913	TEX2	chr17:62224794-62340653	0.598966	0.0934342
XLOC_012269	XLOC_012269	DNAH6	chr2:84743578-85046713	0.599057	1
XLOC_021452	XLOC_021452	FAM86B3P	chr8:8086091-8102387	0.600537	0.830467
XLOC_023529	XLOC_023529	RAB40AL	chrX:102192199-102193228	0.600909	1
XLOC_016742	XLOC_016742	SCFD2	chr4:53739150-54232242	0.602129	0.471351
XLOC_002739	XLOC_002739	LOC399815	chr10:124591670-124658230	0.603061	0.999791
XLOC_009541	XLOC_009541	CCDC144B	chr17:18441114-18528930	0.604307	1
XLOC_006399	XLOC_006399	PPP1R36	chr14:65016619-65056096	0.605193	1
XLOC_020979	XLOC_020979	HOXA6	chr7:27179982-27196296	0.606719	1
XLOC_000317	XLOC_000317	SLFNL1-AS1	chr1:41480261-41707815	0.60677	1
XLOC_003607	XLOC_003607	SLC22A20	chr11:64981310-65010228	0.607152	1
XLOC_021509	XLOC_021509	LOC286059	chr8:22844929-22941132	0.607621	1
XLOC_022863	XLOC_022863	LOC440896	chr9:69174213-69181041	0.608025	1
XLOC_006700	XLOC_006700	SNORD8	chr14:21853352-21905457	0.609343	1
XLOC_002272	XLOC_002272	OPN3	chr1:241695433-241803701	0.610136	1
XLOC_013326	XLOC_013326	KLF7	chr2:207938861-208031970	0.610156	1
XLOC_008553	XLOC_008553	ANKRD26P1	chr16:46503248-46603009	0.610207	1
XLOC_008740	XLOC_008740	PRDM7	chr16:90122973-90142338	0.612691	1
XLOC_011000	XLOC_011000	SEC1P	chr19:49141271-49185502	0.612713	1
XLOC_016445	XLOC_016445	LOC256880	chr4:100871635-100873620	0.612796	1
XLOC_004218	XLOC_004218	BTBD18	chr11:57479994-57586652	0.613211	1
XLOC_002566	XLOC_002566	FAM22D	chr10:89117476-89130452	0.613274	1
XLOC_001398	XLOC_001398	SNORA16A	chr1:28879528-28908366	0.613882	0.999791
XLOC_014328	XLOC_014328	BRWD1	chr21:40557403-40685712	0.61523	0.998026
XLOC_023445	XLOC_023445	STARDB	chrX:67867510-67945684	0.615285	1
XLOC_012915	XLOC_012915	CLHC1	chr2:55399686-55462989	0.617489	0.999791

XLOC_000362	XLOC_000362	MMACHC	chr1:45965855-45988562	0.617853	0.999791
XLOC_004941	XLOC_004941	INHBE	chr12:57849095-57851791	0.619788	0.956701
XLOC_017331	XLOC_017331	MIR4461	chr5:134240809-134298336	0.619804	0.999791
XLOC_014977	XLOC_014977	KCNH8	chr3:19190016-19577135	0.621496	1
XLOC_004292	XLOC_004292	HRASLS2	chr1:63014620-63330855	0.62313	1
XLOC_009323	XLOC_009323	CCDC40	chr17:78010430-78074412	0.626023	0.873899
XLOC_000480	XLOC_000480	SAMD13	chr1:84764048-84816481	0.626924	1
XLOC_012995	XLOC_012995	DQX1	chr2:74745257-74753408	0.629569	1
XLOC_005680	XLOC_005680	SEPLG	chr12:109015679-109027670	0.630217	1
XLOC_009656	XLOC_009656	SNORA21	chr17:37006320-37010053	0.630967	0.999791
XLOC_004580	XLOC_004580	MIR100HG	chr11:121959810-122073770	0.631607	1
XLOC_002642	XLOC_002642	WNT8B	chr10:102222811-102243399	0.631663	1
XLOC_005488	XLOC_005488	SP7	chr12:53720359-53730004	0.631899	1
XLOC_006443	XLOC_006443	CCDC176	chr14:74486058-74551196	0.632133	0.999791
XLOC_007571	XLOC_007571	ATP8B4	chr15:50150434-50411419	0.632186	1
XLOC_008690	XLOC_008690	CDYL2	chr16:80637675-80838175	0.632346	1
XLOC_003646	XLOC_003646	ACTN3	chr11:66313865-66330799	0.633829	1
XLOC_003249	XLOC_003249	LSP1	chr11:1874199-1913493	0.63396	1
XLOC_003881	XLOC_003881	GRAMD1B	chr11:123396527-123493518	0.634421	1
XLOC_008786	XLOC_008786	ZFP3	chr17:4981753-4999639	0.634661	1
XLOC_000300	XLOC_000300	BMP8A	chr1:39957317-40025370	0.634867	1
XLOC_016888	XLOC_016888	SEC24B-AS1	chr4:110351118-110461615	0.637689	0.999791
XLOC_008152	XLOC_008152	CCDC113	chr16:58283839-58328951	0.637918	0.167476
XLOC_007270	XLOC_007270	CORO2B	chr15:68871307-69020144	0.638302	1.037037
XLOC_023028	XLOC_023028	AKNA	chr9:117096432-117156685	0.638946	0.0728308
XLOC_010252	XLOC_010252	FLJ44313	chr18:74207476-74210045	0.639767	0.978746
XLOC_005542	XLOC_005542	NDUFA4L2	chr12:57623355-57634475	0.640343	0.999791
XLOC_022020	XLOC_022020	LOC100505676	chr8:67331821-67341212	0.641034	1
XLOC_001366	XLOC_001366	RHCE	chr1:25664788-25747363	0.642363	0.999791
XLOC_005867	XLOC_005867	OR7E37P	chr13:42016699-42017902	0.644652	1
XLOC_005900	XLOC_005900	ST13P4	chr13:50746153-50747751	0.644685	1
XLOC_021198	XLOC_021198	GJC3	chr7:99520891-99527243	0.645689	1
XLOC_022331	XLOC_022331	ATP8B5P	chr9:35406751-35483026	0.646301	1
XLOC_012171	XLOC_012171	LOC100134259	chr2:47055002-47086145	0.646322	1
XLOC_017018	XLOC_017018	LOC389247	chr4:184415889-184425668	0.646569	0.999791
XLOC_010720	XLOC_010720	ZNF93	chr19:20011721-20046382	0.649165	1
XLOC_023338	XLOC_023338	GPR82	chrX:41374188-41782287	0.649433	1
XLOC_017380	XLOC_017380	PCDHB11	chr5:140579347-140582618	0.649506	0.999791
XLOC_017222	XLOC_017222	ATP6AP1L	chr5:81601165-81614147	0.652102	0.999791
XLOC_006478	XLOC_006478	GPR65	chr14:88471467-88481155	0.652785	1
XLOC_000811	XLOC_000811	CASQ1	chr1:160160284-160171676	0.652795	1
XLOC_016403	XLOC_016403	FGF5	chr4:81187741-81212171	0.653405	0.244149
XLOC_012073	XLOC_012073	FKBP1B	chr2:24272583-24286550	0.653937	1
XLOC_005161	XLOC_005161	CCDC62	chr12:123259055-123311927	0.655237	1
XLOC_005269	XLOC_005269	FAM86FP	chr12:8383644-8395542	0.656044	0.371043
XLOC_019048	XLOC_019048	FRK	chr6:116262692-116381921	0.658215	1
XLOC_013399	XLOC_013399	COL4A4	chr2:227867426-228029275	0.659637	1
XLOC_019200	XLOC_019200	TCTE3	chr6:170140214-170151638	0.659894	1
XLOC_009731	XLOC_009731	JUP	chr17:39910858-39942964	0.660721	1
XLOC_017308	XLOC_017308	CSF2	chr5:131409484-131411863	0.661201	1
XLOC_008005	XLOC_008005	SLC5A11	chr16:24857183-24922949	0.661605	1
XLOC_003773	XLOC_003773	AMOTL1	chr11:94501507-94609918	0.66291	1
XLOC_003121	XLOC_003121	CALHM2	chr10:105206542-105212162	0.66293	1
XLOC_005459	XLOC_005459	KRT81	chr12:52679696-52685299	0.665406	0.978746
XLOC_023622	XLOC_023622	FAM122C	chrX:133903595-133988641	0.665548	0.999791
XLOC_011165	XLOC_011165	LAIR2	chr19:55014012-55021900	0.665711	0.999791
XLOC_018692	XLOC_018692	GUSBP2	chr6:26839265-26924333	0.666529	1
XLOC_003217	XLOC_003217	NLRP6	chr11:278569-285388	0.668239	1
XLOC_007479	XLOC_007479	OTUD7A	chr15:31775328-31947542	0.668406	1
XLOC_013376	XLOC_013376	GLB1L	chr2:220101502-220110131	0.66893	0.66929
XLOC_013908	XLOC_013908	MIR663A	chr20:26167654-26189869	0.669956	0.999791
XLOC_007627	XLOC_007627	RBPMS2	chr15:65032094-65067770	0.670714	1
XLOC_004850	XLOC_004850	SLC4A8	chr12:51745832-51909547	0.67263	0.999791
XLOC_009157	XLOC_009157	FLJ45513	chr17:47915670-47926199	0.672813	1
XLOC_006139	XLOC_006139	NEK5	chr13:52638899-52703214	0.67403	1
XLOC_017871	XLOC_017871	FGF1	chr5:141971742-142077635	0.674351	1
XLOC_003547	XLOC_003547	RPLP0P2	chr11:61382507-61406821	0.677258	0.28478
XLOC_016286	XLOC_016286	LOC401127	chr4:39481874-39483523	0.677999	1
XLOC_003310	XLOC_003310	RBMXL2	chr11:7110164-7112379	0.67939	1
XLOC_002337	XLOC_002337	ITIH2	chr10:7745235-7791483	0.680563	1
XLOC_007511	XLOC_007511	C15orf52	chr15:40623652-40633168	0.681813	1
XLOC_002460	XLOC_002460	ASAH2B	chr10:52499687-52514569	0.682556	1
XLOC_014097	XLOC_014097	ANKRD30BP2	chr21:14410486-14490571	0.683064	1
XLOC_005199	XLOC_005199	EP400NL	chr12:132568827-132610885	0.683589	0.999791
XLOC_018221	XLOC_018221	CYP21A2	chr6:32006092-32077151	0.684115	1
XLOC_022815	XLOC_022815	FAM166B	chr9:35490006-35563896	0.684964	0.999791
XLOC_006403	XLOC_006403	LOC100506321	chr14:65381078-65569413	0.685095	1
XLOC_023621	XLOC_023621	LINC00629	chrX:133684053-133694428	0.685816	1
XLOC_002061	XLOC_002061	ZNF648	chr1:182023704-182030847	0.686537	1

XLOC_018451	XLOC_018451	WISP3	chr6:112375277-112390887	0.687136	1
XLOC_009125	XLOC_009125	LRRRC37A	chr17:44372496-44439163	0.687495	1
XLOC_005264	XLOC_005264	SLC2A14	chr12:7966396-8025495	0.687773	1
XLOC_004470	XLOC_004470	SNORA40	chr11:93468275-93468402	0.688414	0.999791
XLOC_008832	XLOC_008832	DNAH2	chr17:7623038-7737058	0.688843	1
XLOC_016147	XLOC_016147	CEP19	chr3:196433147-196439123	0.690308	0.854021
XLOC_015544	XLOC_015544	LMLN	chr3:197687070-197770591	0.691618	0.216036
XLOC_005657	XLOC_005657	IGF1	chr12:102789644-102874378	0.692176	1
XLOC_009325	XLOC_009325	CARD14	chr17:78143790-78194199	0.692488	1
XLOC_018578	XLOC_018578	C6orf99	chr6:159309618-159331385	0.693602	0.999791
XLOC_021199	XLOC_021199	AZGP1	chr7:99564349-99573735	0.695751	1
XLOC_000493	XLOC_000493	LOC339524	chr1:87595447-87634886	0.695858	1
XLOC_016029	XLOC_016029	PA2G4P4	chr3:156465131-156534851	0.696133	1
XLOC_022712	XLOC_022712	GLIS3	chr9:3824127-4300035	0.699002	1
XLOC_011465	XLOC_011465	SYCE2	chr19:13001973-13030086	0.699535	0.999791
XLOC_015605	XLOC_015605	PP2D1	chr3:19988571-20053765	0.700136	1
XLOC_015524	XLOC_015524	FLJ34208	chr3:194207868-194209274	0.701246	1
XLOC_012651	XLOC_012651	CYP27A1	chr2:219646471-219680016	0.701445	1
XLOC_017169	XLOC_017169	GTF2H2C,GTF2H2D	chr5:68856050-68888729	0.702118	0.326135
XLOC_008145	XLOC_008145	GPR56	chr16:57653909-57698944	0.703475	1
XLOC_021335	XLOC_021335	PTN	chr7:136912091-137028546	0.703713	0.983758
XLOC_010735	XLOC_010735	ZNF492	chr19:22817125-22850472	0.705001	1
XLOC_010904	XLOC_010904	PINLYP	chr19:44080951-44086256	0.705717	0.999791
XLOC_016188	XLOC_016188	HGFAC	chr4:3443725-3451213	0.706722	1
XLOC_001450	XLOC_001450	OSCP1	chr1:36883506-36916086	0.706844	0.598908
XLOC_001644	XLOC_001644	GBP4	chr1:89646830-89664633	0.707559	1
XLOC_006521	XLOC_006521	AK7	chr14:96858447-96955764	0.707748	1
XLOC_004909	XLOC_004909	METTL7B	chr12:56075329-56106089	0.708493	0.999791
XLOC_017887	XLOC_017887	SH3TC2	chr5:148361712-148442737	0.70897	1
XLOC_002287	XLOC_002287	ZNF669	chr1:247263263-247267674	0.71045	0.230376
XLOC_015309	XLOC_015309	CHST13	chr3:126243130-126262134	0.711836	0.999791
XLOC_024103	XLOC_024103	CXorf48	chrX:134290460-134305751	0.711926	1
XLOC_001657	XLOC_001657	LOC100131564	chr1:93775665-93811368	0.711947	0.547553
XLOC_013768	XLOC_013768	COL9A3	chr20:61448413-61493115	0.71198	0.117049
XLOC_009831	XLOC_009831	PHOSPHO1	chr17:47300731-47308128	0.712633	1
XLOC_016175	XLOC_016175	SCARNA22	chr4:1873122-1983934	0.712804	0.999791
XLOC_011060	XLOC_011060	MGC45922	chr19:51320936-51322134	0.716246	1
XLOC_013520	XLOC_013520	CHGB	chr20:5891973-5906005	0.716717	1
XLOC_012687	XLOC_012687	SP140	chr2:231090444-231177930	0.717549	1
XLOC_012297	XLOC_012297	ANKRD36BP2	chr2:89065418-89106109	0.718418	1
XLOC_015948	XLOC_015948	FAM86HP	chr3:129800673-129830276	0.718885	0.471351
XLOC_023520	XLOC_023520	ARMCX1	chrX:100805513-100809675	0.718902	1
XLOC_003919	XLOC_003919	LINC00167	chr11:129769600-129875381	0.72004	1
XLOC_004178	XLOC_004178	AGBL2	chr11:47681142-47736928	0.720592	1
XLOC_014783	XLOC_014783	SLC5A4	chr22:32614462-32651318	0.721629	1
XLOC_000235	XLOC_000235	RNU11	chr1:28975111-28975246	0.721896	0.999791
XLOC_023251	XLOC_023251	VCX3B	chrX:8432870-8434551	0.722205	1
XLOC_014167	XLOC_014167	DSCR9	chr21:38580803-38594037	0.722285	1
XLOC_004730	XLOC_004730	LOC338817	chr12:11700963-11717335	0.722968	1
XLOC_015439	XLOC_015439	LRRIQ4	chr3:169539709-169555560	0.724907	1
XLOC_009752	XLOC_009752	RAMP2-AS1	chr17:40905946-40915060	0.725413	1
XLOC_006398	XLOC_006398	HSPA2	chr14:65007185-65009954	0.726317	1
XLOC_023011	XLOC_023011	C9orf84	chr9:114448900-114454779	0.727081	1
XLOC_009504	XLOC_009504	MAGOH2	chr17:10616638-10718481	0.727421	1
XLOC_021434	XLOC_021434	MYOM2	chr8:1993157-2093380	0.727488	1
XLOC_020764	XLOC_020764	AKR1B10	chr7:134212343-134226166	0.728443	1
XLOC_017385	XLOC_017385	PCDHB19P	chr5:140619688-140624312	0.729947	1
XLOC_009685	XLOC_009685	KRT20	chr17:39032140-39041495	0.730464	1
XLOC_000505	XLOC_000505	BTBD8	chr1:92545861-92613401	0.730647	1
XLOC_003002	XLOC_003002	BMS1P4	chr10:75458908-75490272	0.730656	0.956701
XLOC_011064	XLOC_011064	SIGLEC7	chr19:51645557-51656783	0.730764	1
XLOC_000136	XLOC_000136	PADI1	chr1:17531620-17572501	0.732589	1
XLOC_023132	XLOC_023132	ABO	chr9:136130562-136150630	0.732656	1
XLOC_023538	XLOC_023538	TMEM31	chrX:102962271-102983552	0.732786	1
XLOC_005349	XLOC_005349	ST8SIA1	chr12:22346324-22487648	0.733668	1
XLOC_014888	XLOC_014888	C22orf26	chr22:46446338-46454402	0.733965	1
XLOC_011766	XLOC_011766	RSPH6A	chr19:46298967-46318605	0.734252	1
XLOC_012116	XLOC_012116	SPDYA	chr2:29033699-29093175	0.734265	1
XLOC_005699	XLOC_005699	HVCN1	chr12:111051831-111127617	0.734802	1
XLOC_002923	XLOC_002923	FRMPD2	chr10:49364600-49482941	0.735154	1
XLOC_009638	XLOC_009638	TBC1D3G	chr17:34797174-34808103	0.735286	1
XLOC_012322	XLOC_012322	ZAP70	chr2:98330030-98356323	0.736265	1
XLOC_024031	XLOC_024031	KIAA1210	chrX:118212597-118284542	0.736685	1
XLOC_012970	XLOC_012970	CD207	chr2:71057342-71062953	0.737414	1
XLOC_007852	XLOC_007852	TMEM204	chr16:1543351-1662109	0.739111	1
XLOC_023768	XLOC_023768	ACE2	chrX:15579155-15620192	0.739725	1
XLOC_018610	XLOC_018610	HUS1B	chr6:485137-693141	0.74073	0.999791
XLOC_014816	XLOC_014816	SOX10	chr22:38368318-38380539	0.741221	1
XLOC_011228	XLOC_011228	ZIK1	chr19:58095627-58103758	0.741336	1

XLOC_003929	XLOC_003929	GLB1L3	chr11:134146274-134189458	0.741471	1
XLOC_011523	XLOC_011523	TMEM221	chr19:17546317-17559376	0.742446	1
XLOC_001981	XLOC_001981	RPL31P11	chr1:161653494-161655042	0.742679	1
XLOC_015260	XLOC_015260	BOC	chr3:112931374-113160361	0.743404	1
XLOC_000055	XLOC_000055	ESPN	chr1:6484847-6521004	0.743634	1
XLOC_009531	XLOC_009531	SMCR5	chr17:17584786-17740325	0.744784	1
XLOC_005062	XLOC_005062	STAB2	chr12:103981068-104160502	0.744846	1
XLOC_021415	XLOC_021415	LOC285889	chr7:156230482-156238282	0.744972	1
XLOC_012095	XLOC_012095	ABHD1	chr2:27346656-27357542	0.745844	1
XLOC_007561	XLOC_007561	GATM	chr15:45653321-45672321	0.74621	1
XLOC_013344	XLOC_013344	IKZF2	chr2:213864410-214016333	0.747108	1
XLOC_022091	XLOC_022091	LINC00535	chr8:94358694-94712661	0.747168	1
XLOC_005781	XLOC_005781	LOC387895	chr12:127215246-127256808	0.748814	1
XLOC_003233	XLOC_003233	SNORA52	chr11:809935-812876	0.748859	0.999791
XLOC_008014	XLOC_008014	IL21R	chr16:27413482-27464714	0.74927	1
XLOC_003296	XLOC_003296	C11orf42	chr11:6226797-6232365	0.749637	1
XLOC_013783	XLOC_013783	C20orf195	chr20:62184372-62188035	0.750048	1
XLOC_011083	XLOC_011083	ZNF610	chr19:52839497-52870376	0.750083	1
XLOC_023787	XLOC_023787	SCARNA9L	chrX:20142635-20159966	0.75073	0.999791
XLOC_002341	XLOC_002341	CELF2	chr10:11047258-11378672	0.75118	1
XLOC_009102	XLOC_009102	ASB16	chr17:42248073-42264085	0.751576	1
XLOC_011824	XLOC_011824	LOC101059948	chr19:49521504-49522741	0.751774	0.999791
XLOC_000384	XLOC_000384	FOXE3	chr1:47881743-47883724	0.75291	1
XLOC_006343	XLOC_006343	KLHDC1	chr14:50159822-50219870	0.754989	1
XLOC_013090	XLOC_013090	SH3RF3-AS1	chr2:109743783-110262207	0.755214	1
XLOC_015773	XLOC_015773	ESRG	chr3:54156692-55108584	0.756815	1
XLOC_000376	XLOC_000376	TEX38	chr1:47137496-47139256	0.757262	1
XLOC_017026	XLOC_017026	SLED1	chr4:185676748-185747215	0.757585	1
XLOC_011069	XLOC_011069	LOC100129083	chr19:51913274-51921057	0.759794	1
XLOC_005808	XLOC_005808	FGF9	chr13:22245214-22278640	0.761556	0.364154
XLOC_010951	XLOC_010951	FOXA3	chr19:46367517-46377055	0.761588	1
XLOC_017312	XLOC_017312	C5orf56	chr5:131746464-131811736	0.762897	0.999791
XLOC_006667	XLOC_006667	CRIP1	chr14:105953256-105955124	0.763077	0.999791
XLOC_004045	XLOC_004045	ZNF214	chr11:7020548-7041586	0.764069	0.653038
XLOC_020367	XLOC_020367	RSPH10B2	chr7:6793739-6838396	0.764432	1
XLOC_023526	XLOC_023526	GPRASP1	chrX:101854095-101972661	0.764446	1
XLOC_018734	XLOC_018734	TRIM31	chr6:30070673-30080867	0.76456	1
XLOC_001886	XLOC_001886	GBAP1	chr1:155178489-155197325	0.765508	0.999791
XLOC_004794	XLOC_004794	DENND5B-AS1	chr12:31535156-31768285	0.767357	1
XLOC_013951	XLOC_013951	SLA2	chr20:35201875-35274619	0.767422	1
XLOC_007482	XLOC_007482	FMN1	chr15:33057746-33360085	0.768229	1
XLOC_007639	XLOC_007639	IGDCC4	chr15:65673824-65715410	0.769418	1
XLOC_002032	XLOC_002032	SNORD47	chr1:173832385-173837125	0.769683	0.999791
XLOC_003632	XLOC_003632	TSGA10IP	chr11:65713114-65727434	0.770806	0.999791
XLOC_008770	XLOC_008770	SPNS3	chr17:4337218-4391499	0.772488	0.999791
XLOC_008017	XLOC_008017	APOBR	chr16:28505969-28510291	0.77365	1
XLOC_008851	XLOC_008851	WDR16	chr17:9479943-9546776	0.773701	1
XLOC_008781	XLOC_008781	C17orf107	chr17:4736634-4806369	0.775117	1
XLOC_006797	XLOC_006797	C14orf182	chr14:50448429-50474238	0.778535	1
XLOC_018270	XLOC_018270	RAB44	chr6:36665627-36700960	0.781803	1
XLOC_010968	XLOC_010968	C5AR1	chr19:47813103-47825327	0.782273	0.886909
XLOC_011745	XLOC_011745	CEACAM22P	chr19:45041044-45060150	0.782492	1
XLOC_015569	XLOC_015569	GHRL	chr3:10290176-10335133	0.782519	1
XLOC_005664	XLOC_005664	GLT8D2	chr12:104382764-104443915	0.784398	1
XLOC_014431	XLOC_014431	P2RX6	chr22:21369441-21382302	0.784552	1
XLOC_014825	XLOC_014825	DMC1	chr22:38914953-38966189	0.785325	1
XLOC_006314	XLOC_006314	AP4S1	chr14:31363004-31565656	0.785651	0.999791
XLOC_013662	XLOC_013662	L3MBTL1	chr20:42136319-42170535	0.785711	0.610388
XLOC_017961	XLOC_017961	LOC643201	chr5:175570087-175626298	0.786002	1
XLOC_012538	XLOC_012538	DFNB59	chr2:179059207-179672150	0.787641	0.999791
XLOC_021672	XLOC_021672	SLC26A7	chr8:92261515-92410378	0.787841	1
XLOC_010907	XLOC_010907	IRGC	chr19:44220213-44224169	0.789147	1
XLOC_023291	XLOC_023291	YY2	chrX:21857655-21903541	0.78971	0.999791
XLOC_010527	XLOC_010527	EMR1	chr19:6887559-6940464	0.792188	1
XLOC_024096	XLOC_024096	PLAC1	chrX:133699872-133792513	0.796656	1
XLOC_000600	XLOC_000600	AKR7A2P1	chr1:113454469-113498975	0.796907	1
XLOC_009922	XLOC_009922	LRRRC37A3	chr17:62850487-62914903	0.797143	1
XLOC_016667	XLOC_016667	SLC2A9	chr4:9827847-10041872	0.79738	1
XLOC_013006	XLOC_013006	REG3A	chr2:79384131-79386880	0.799157	1
XLOC_006507	XLOC_006507	PPP4R4	chr14:94640648-94746072	0.803088	0.999791
XLOC_003429	XLOC_003429	GYLTL1B	chr11:45943195-45950647	0.803725	1
XLOC_012580	XLOC_012580	AOX1	chr2:201450730-201536217	0.803783	1
XLOC_013781	XLOC_013781	COL20A1	chr20:61924537-61962285	0.804739	1
XLOC_014001	XLOC_014001	SPATA25	chr20:44515129-44516238	0.805069	1
XLOC_011935	XLOC_011935	VSTM1	chr19:54544079-54567207	0.809334	1
XLOC_014262	XLOC_014262	GRIK1	chr21:30909253-31312282	0.809495	1
XLOC_017195	XLOC_017195	ANKDD1B	chr5:74916139-74966865	0.812034	1
XLOC_004664	XLOC_004664	GALNT8	chr12:4829751-4881892	0.813637	1
XLOC_003766	XLOC_003766	HEPHL1	chr11:93754377-93847374	0.81397	1

XLOC_018197	XLOC_018197	LST1	chr6:31553955-31560762	0.81508	1
XLOC_020387	XLOC_020387	RPL23P8	chr7:20866916-20867439	0.815979	1
XLOC_022346	XLOC_022346	CCIN	chr9:36169388-36171331	0.816523	1
XLOC_005156	XLOC_005156	LRRC43	chr12:122652265-122688018	0.818364	1
XLOC_009587	XLOC_009587	SEZ6	chr17:27281946-27333081	0.821263	1
XLOC_003706	XLOC_003706	PLEKHB1	chr11:73357222-73373864	0.82227	1
XLOC_002237	XLOC_002237	AGT	chr1:230838271-230850336	0.823194	1
XLOC_017501	XLOC_017501	ARL10	chr5:175792501-175800503	0.825343	1
XLOC_018096	XLOC_018096	HIST1H4C	chr6:26104175-26104565	0.826307	0.999791
XLOC_005088	XLOC_005088	MYO1H	chr12:109826523-109886176	0.826602	1
XLOC_004089	XLOC_004089	SOX6	chr11:15987994-16497935	0.827168	1
XLOC_002837	XLOC_002837	ST8SIA6	chr10:17362675-17496254	0.827232	1
XLOC_012936	XLOC_012936	LOC100132215	chr2:62900985-63275656	0.828159	1
XLOC_012163	XLOC_012163	SIX3	chr2:45169036-45173216	0.829027	1
XLOC_016415	XLOC_016415	PTPN13	chr4:87515467-87736328	0.829122	1
XLOC_017489	XLOC_017489	LOC285593	chr5:173006645-173012075	0.831545	1
XLOC_017138	XLOC_017138	IL31RA	chr5:55147206-55218682	0.831987	1
XLOC_018152	XLOC_018152	OR2H1	chr6:29426229-29432099	0.832265	1
XLOC_016112	XLOC_016112	LEPREL1	chr3:189674516-189840226	0.833576	1
XLOC_002155	XLOC_002155	IL10	chr1:206940947-206945839	0.834197	1
XLOC_012614	XLOC_012614	CPO	chr2:207804277-207834198	0.835361	1
XLOC_000305	XLOC_000305	TMCO2	chr1:40713572-40717365	0.836544	1
XLOC_000999	XLOC_000999	LEMD1-AS1	chr1:205342379-205391214	0.836758	1
XLOC_011211	XLOC_011211	SMIM17	chr19:57154526-57168614	0.83708	1
XLOC_021711	XLOC_021711	ZFPM2	chr8:106331146-106816767	0.838293	1
XLOC_016856	XLOC_016856	ADH6	chr4:100010007-100222513	0.83848	1
XLOC_017286	XLOC_017286	SNCAIP	chr5:121647819-121814782	0.839318	0.446454
XLOC_012368	XLOC_012368	RGPD5, RGPD6	chr2:110550334-110615282	0.839661	1
XLOC_009698	XLOC_009698	KRTAP2-3	chr17:39215492-39216344	0.839758	0.66929
XLOC_018771	XLOC_018771	VWA7	chr6:31733370-31745108	0.840252	1
XLOC_021859	XLOC_021859	SOX7	chr8:10581277-10588022	0.841071	1
XLOC_023761	XLOC_023761	GPM6B	chrX:13789061-13956831	0.841094	1
XLOC_002247	XLOC_002247	DISC2	chr1:231664398-232177019	0.841777	1
XLOC_004146	XLOC_004146	RAG2	chr1:36613492-36680817	0.843512	1
XLOC_017092	XLOC_017092	CDH6	chr5:31193761-31329253	0.844169	1
XLOC_005325	XLOC_005325	GSF1	chr12:13236470-13256630	0.844641	1
XLOC_016660	XLOC_016660	FLJ36777	chr4:7099150-7105103	0.844845	1
XLOC_012292	XLOC_012292	PLGLB2	chr2:88047605-88285309	0.844856	1
XLOC_006310	XLOC_006310	C14orf23	chr14:29241909-29264000	0.84519	1
XLOC_000254	XLOC_000254	DCDC2B	chr1:32674694-32681797	0.845393	1
XLOC_008180	XLOC_008180	RLTPR	chr16:67679029-67694718	0.845709	1
XLOC_001217	XLOC_001217	LOC100129534	chr1:2252695-2322993	0.845958	0.91464
XLOC_016296	XLOC_016296	DCAF4L1	chr4:41983712-41988484	0.846361	1
XLOC_016020	XLOC_016020	LOC100507537	chr3:155008020-155011489	0.847334	1
XLOC_012862	XLOC_012862	NLRC4	chr2:32449517-32490812	0.856909	1
XLOC_008425	XLOC_008425	BCAR4	chr16:11913691-11922689	0.857018	1
XLOC_004840	XLOC_004840	GPD1	chr12:50497601-50505103	0.858275	1
XLOC_022994	XLOC_022994	ACTL7B	chr9:111616868-111618275	0.858538	1
XLOC_008600	XLOC_008600	SNORA50	chr16:58549382-58663790	0.861282	0.999791
XLOC_021636	XLOC_021636	LY96	chr8:74903563-74941307	0.862288	0.891812
XLOC_001831	XLOC_001831	HRNR	chr1:152184551-152196672	0.864182	1
XLOC_012716	XLOC_012716	SCARNA5	chr2:234160216-234204320	0.865251	0.999791
XLOC_005307	XLOC_005307	TAS2R19	chr12:10998447-11328619	0.866421	1
XLOC_008799	XLOC_008799	XAF1	chr17:6659155-6678964	0.866675	1
XLOC_014574	XLOC_014574	GRAP2	chr22:40297085-40367384	0.867412	1
XLOC_000141	XLOC_000141	ACTL8	chr1:18081807-18153558	0.869088	0.0961594
XLOC_007350	XLOC_007350	FAM154B	chr15:82555151-82577267	0.869984	1
XLOC_009485	XLOC_009485	RNF222	chr17:8294022-8301144	0.870461	1
XLOC_015878	XLOC_015878	KIAA1407	chr3:113682983-113775460	0.872832	0.276909
XLOC_004465	XLOC_004465	SNORA1	chr11:93465169-93465299	0.873068	1
XLOC_009067	XLOC_009067	HSPB9	chr17:40274755-40275371	0.874044	1
XLOC_016016	XLOC_016016	TMEM14E	chr3:151980404-152183569	0.874335	1
XLOC_000028	XLOC_000028	MMP23B	chr1:1567559-1570030	0.874681	1
XLOC_009545	XLOC_009545	GRAP	chr17:18853988-18950336	0.87509	1
XLOC_005409	XLOC_005409	COL2A1	chr12:48366747-48398285	0.876081	1
XLOC_019201	XLOC_019201	LINC00242	chr6:170188885-170202969	0.876884	0.891812
XLOC_003354	XLOC_003354	LOC494141	chr11:18230684-18235111	0.877576	1
XLOC_008597	XLOC_008597	PRSS54	chr16:58283839-58328951	0.879587	0.999791
XLOC_015540	XLOC_015540	DLG1-AS1	chr3:196769430-197030621	0.879691	1
XLOC_008505	XLOC_008505	FAM57B	chr16:30034654-30042186	0.880809	1
XLOC_011387	XLOC_011387	PRAM1	chr19:8554939-8567538	0.881701	1
XLOC_010223	XLOC_010223	CDH20	chr18:59157774-59222365	0.881781	1
XLOC_014932	XLOC_014932	CPNE9	chr3:9745509-9771592	0.883319	1
XLOC_022797	XLOC_022797	C9orf24	chr9:34379016-34397849	0.883548	1
XLOC_022660	XLOC_022660	KCNT1	chr9:138594030-138684993	0.883604	1
XLOC_015365	XLOC_015365	C3orf72	chr3:138666075-138672830	0.884312	1
XLOC_001855	XLOC_001855	S100A3	chr1:153519808-153521734	0.886961	0.117049
XLOC_013989	XLOC_013989	MATN4	chr20:43922086-43946464	0.887509	1
XLOC_004611	XLOC_004611	FEZ1	chr11:125315640-125366206	0.887922	1

XLOC_022368	XLOC_022368	AQP7P3	chr9:42844369-42893137	0.889594	0.999791
XLOC_003344	XLOC_003344	CALCB	chr11:15095145-15100177	0.889796	1
XLOC_006749	XLOC_006749	STXBP6	chr14:25281305-25519095	0.893219	0.337665
XLOC_012597	XLOC_012597	ALS2CR8	chr2:203776977-203851060	0.896687	1
XLOC_022277	XLOC_022277	MLANA	chr9:5890908-5909822	0.897999	1
XLOC_009051	XLOC_009051	KRTAP4-7	chr17:39240458-39241396	0.900049	1
XLOC_005366	XLOC_005366	PTHLLH	chr12:28111016-28124916	0.901279	1
XLOC_011497	XLOC_011497	EPHX3	chr19:15337729-15343858	0.902006	1
XLOC_007990	XLOC_007990	SMG1P1	chr16:22430866-22503541	0.903536	1
XLOC_003667	XLOC_003667	ALDH3B1	chr11:67776047-67796743	0.904087	1
XLOC_020431	XLOC_020431	ADCYAP1R1	chr7:31092075-31151093	0.906851	1
XLOC_021746	XLOC_021746	PCAT1	chr8:128025398-128033259	0.907308	1
XLOC_007195	XLOC_007195	C15orf48	chr15:45722726-45725647	0.907605	1
XLOC_000975	XLOC_000975	PTPRVP	chr1:202137178-202158577	0.910207	1
XLOC_015511	XLOC_015511	TPRG1	chr3:188889762-189041271	0.910244	1
XLOC_001146	XLOC_001146	VN1R5	chr1:247419373-247420447	0.910865	1
XLOC_007744	XLOC_007744	LOC338963	chr15:83379222-83382745	0.912047	1
XLOC_001626	XLOC_001626	LPAR3	chr1:85279085-85358896	0.913008	1
XLOC_000771	XLOC_000771	SEMA4A	chr1:156119734-156147542	0.913858	1
XLOC_013436	XLOC_013436	COL6A3	chr2:238232654-238322850	0.915223	1
XLOC_018774	XLOC_018774	HSPA1L	chr6:31777395-31782835	0.915285	1
XLOC_010370	XLOC_010370	MRO	chr18:48321489-48351754	0.915968	1
XLOC_017233	XLOC_017233	ARRDC3-AS1	chr5:90664540-90716532	0.917204	1
XLOC_008467	XLOC_008467	PDZD9	chr16:21995185-22012431	0.920116	1
XLOC_010586	XLOC_010586	C19orf38	chr19:10959105-10980360	0.920971	1
XLOC_003946	XLOC_003946	CDHR5	chr11:616564-625067	0.92162	1
XLOC_014498	XLOC_014498	CABP7	chr22:30116343-30162969	0.922535	1
XLOC_000976	XLOC_000976	LGR6	chr1:202163117-202288889	0.922701	1
XLOC_013095	XLOC_013095	MALL	chr2:110841446-110874143	0.923642	1
XLOC_011401	XLOC_011401	ZNF426	chr19:9638680-9649303	0.924064	1
XLOC_001073	XLOC_001073	CNIH3	chr1:224804178-224928249	0.925089	1
XLOC_023984	XLOC_023984	ZMAT1	chrX:101137259-101187039	0.928402	1
XLOC_022043	XLOC_022043	LOC100130301	chr8:74153658-74171737	0.929665	1
XLOC_011646	XLOC_011646	MAP4K1	chr19:39078280-39108643	0.930422	1
XLOC_002807	XLOC_002807	ITIH5	chr10:7601231-7708961	0.933004	1
XLOC_016806	XLOC_016806	CCDC158	chr4:77234191-77328458	0.933057	1
XLOC_001954	XLOC_001954	KCNJ10	chr1:160007256-160040051	0.936105	1
XLOC_010109	XLOC_010109	PTPRM	chr18:7567313-8406859	0.936652	1
XLOC_014826	XLOC_014826	FAM227A	chr22:38974124-39052634	0.937289	1
XLOC_012718	XLOC_012718	SAG	chr2:234216308-234255701	0.937886	1
XLOC_005986	XLOC_005986	TNFSF13B	chr13:108921976-108960832	0.937966	1
XLOC_015300	XLOC_015300	MYLK-AS1	chr3:123304402-123603149	0.93927	1
XLOC_010519	XLOC_010519	LOC100128568	chr19:5978413-6110664	0.940674	1
XLOC_017041	XLOC_017041	TRIML2	chr4:189012426-189026408	0.941367	0.774655
XLOC_016116	XLOC_016116	UTS2D	chr3:190984943-191116459	0.941587	1
XLOC_005184	XLOC_005184	LINC00507	chr12:128399954-128436097	0.942823	1
XLOC_021514	XLOC_021514	LOC100507156	chr8:23154409-23261722	0.943269	1
XLOC_007454	XLOC_007454	LOC283683	chr15:23094330-23115254	0.943502	1
XLOC_021616	XLOC_021616	TRIM55	chr8:67039277-67087718	0.94408	1
XLOC_009139	XLOC_009139	LRRC46	chr17:45908992-45918699	0.944759	0.999791
XLOC_017700	XLOC_017700	ANKRD31	chr5:74364121-74532703	0.945664	1
XLOC_001307	XLOC_001307	MFAP2	chr1:17300998-17308081	0.948742	0.999791
XLOC_003820	XLOC_003820	TEX12	chr11:112038094-112043279	0.94961	1
XLOC_015242	XLOC_015242	LINC00636	chr3:107602051-107647753	0.949772	1
XLOC_017519	XLOC_017519	FAM153C	chr5:177433966-177476088	0.952056	1
XLOC_020365	XLOC_020365	ZNF853	chr7:6655526-6663921	0.952196	1
XLOC_020459	XLOC_020459	HECW1	chr7:43152197-43602938	0.952222	1
XLOC_003190	XLOC_003190	FAM196A	chr10:128594022-129250780	0.952312	1
XLOC_001579	XLOC_001579	HSD52	chr1:59597607-59612479	0.953167	1
XLOC_003033	XLOC_003033	KLLN	chr10:89618917-89623194	0.953246	1
XLOC_012179	XLOC_012179	GTF2A1L,STON1,STON1-GTF2A	chr2:48757063-49003656	0.956129	1
XLOC_004269	XLOC_004269	LRRN4CL	chr11:62453873-62457371	0.958588	1
XLOC_004128	XLOC_004128	DCDC5	chr11:30885149-31014233	0.963061	1
XLOC_003564	XLOC_003564	GNG3	chr11:62457733-62494857	0.963176	1
XLOC_019071	XLOC_019071	KIAA0408,SOGA3	chr6:127759550-127840500	0.963389	1
XLOC_004124	XLOC_004124	BDNF	chr11:27528398-27743605	0.964321	1
XLOC_016076	XLOC_016076	CCDC39	chr3:180331795-180397283	0.968392	1
XLOC_018804	XLOC_018804	HLA-DMA	chr6:32916390-32920899	0.968897	0.720823
XLOC_022373	XLOC_022373	KGFLP1	chr9:46687556-46746820	0.969337	1
XLOC_013347	XLOC_013347	ABCA12	chr2:215796265-216003151	0.969785	1
XLOC_005180	XLOC_005180	TMEM132B	chr12:125811161-126143589	0.972287	1
XLOC_005235	XLOC_005235	VWF	chr12:6058039-6233836	0.974606	1
XLOC_017314	XLOC_017314	IL13	chr5:131993864-131996801	0.978805	1
XLOC_001052	XLOC_001052	SPATA17	chr1:217804694-218040484	0.979497	1
XLOC_020635	XLOC_020635	CYP3A43	chr7:99425635-99464173	0.979902	1
XLOC_000571	XLOC_000571	GSTM2	chr1:110210643-110226619	0.981196	1
XLOC_018333	XLOC_018333	TDRD6	chr6:46655611-46703430	0.982811	1
XLOC_023282	XLOC_023282	NHS	chrX:17393542-17754113	0.98404	1
XLOC_011266	XLOC_011266	PRSS57	chr19:885455-695461	0.984089	1

XLOC_022655	XLOC_022655	LCN1	chr9:138413283-138418386	0.984388	1
XLOC_017850	XLOC_017850	TMEM173	chr5:138855112-138862343	0.985624	1
XLOC_002390	XLOC_002390	LINC00264	chr10:26878793-26883251	0.986304	1
XLOC_015127	XLOC_015127	GRM2	chr3:51741080-51752625	0.987476	1
XLOC_021113	XLOC_021113	GTF2IRD2	chr7:74210483-74267841	0.988565	1
XLOC_022525	XLOC_022525	PAPPA	chr9:118916070-119164600	0.991862	1
XLOC_015395	XLOC_015395	LOC646903	chr3:149689065-149691029	0.9919	1
XLOC_011068	XLOC_011068	IGLN5	chr19:51815101-51834102	0.996238	1
XLOC_008782	XLOC_008782	GP1BA	chr17:4835591-4838325	0.997931	1
XLOC_011084	XLOC_011084	ZNF880	chr19:52873169-52889046	0.999599	1
XLOC_004782	XLOC_004782	C12orf70	chr12:27619742-27655118	0.999668	1
XLOC_007992	XLOC_007992	LOC653786	chr16:22557018-22588186	1.00093	1
XLOC_004680	XLOC_004680	CD4	chr12:6898637-6929976	1.00102	1
XLOC_022448	XLOC_022448	MIRLET7D	chr9:96938851-96966848	1.00141	1
XLOC_009064	XLOC_009064	TTC25	chr17:40086887-40117668	1.00479	1
XLOC_007196	XLOC_007196	HMG2P46	chr15:45774679-45848928	1.00562	1
XLOC_024183	XLOC_024183	RENBP	chrX:153200721-153210232	1.00635	0.866946
XLOC_023833	XLOC_023833	CFP	chrX:47483611-47489704	1.00693	1
XLOC_017647	XLOC_017647	LOC642366	chr5:50668570-50690563	1.01096	1
XLOC_000404	XLOC_000404	DIO1	chr1:54359860-54376759	1.01143	1
XLOC_005245	XLOC_005245	LPAR5	chr12:6728000-6745297	1.01431	1
XLOC_003580	XLOC_003580	FLRT1	chr11:63766029-63933585	1.01772	1
XLOC_006270	XLOC_006270	TMEM253	chr14:21558204-21572863	1.01826	0.999791
XLOC_011598	XLOC_011598	LGIA	chr19:35615416-35626178	1.01873	1
XLOC_009035	XLOC_009035	GRB7	chr17:37894161-37903538	1.01887	1
XLOC_018803	XLOC_018803	HLA-DMB	chr6:32902405-32908847	1.01961	1
XLOC_003746	XLOC_003746	LOC100506368	chr11:8666662-86711989	1.02014	1
XLOC_007857	XLOC_007857	EME2	chr16:1823228-1826239	1.02015	0.999791
XLOC_019030	XLOC_019030	PPIL6	chr6:109711417-109765122	1.0209	0.999791
XLOC_003318	XLOC_003318	SNORA3	chr11:8703994-8711419	1.02244	0.999791
XLOC_023079	XLOC_023079	SNORA65	chr9:130209952-130213711	1.02284	0.999791
XLOC_006422	XLOC_006422	ADAM21	chr14:70918873-70926622	1.02321	1
XLOC_011837	XLOC_011837	PTH2	chr19:49925670-49926698	1.02321	1
XLOC_022657	XLOC_022657	PAEP	chr9:138453603-138458622	1.0242	1
XLOC_021747	XLOC_021747	POU5F1B	chr8:128427856-128429441	1.02528	0.290362
XLOC_011045	XLOC_011045	ATF5	chr19:95302912-95437193	1.02665	0.638821
XLOC_008028	XLOC_008028	RRN3P2	chr16:29086162-29128038	1.02682	1
XLOC_001867	XLOC_001867	NUP210L	chr1:153965167-154127592	1.03285	1
XLOC_013136	XLOC_013136	LIMS2	chr2:128395995-128439360	1.03304	1
XLOC_004013	XLOC_004013	OR51B4	chr1:5322243-5323176	1.03529	1
XLOC_011986	XLOC_011986	ZNF835	chr19:57174019-57183123	1.03574	1
XLOC_012630	XLOC_012630	TMEM169	chr2:216946588-216967506	1.03609	1
XLOC_001715	XLOC_001715	KCND3	chr1:112318453-112531777	1.03663	1
XLOC_018731	XLOC_018731	HCG4B	chr6:29892368-29893428	1.04563	0.978746
XLOC_001214	XLOC_001214	KIAA1751	chr1:1884751-1935276	1.04671	1
XLOC_014036	XLOC_014036	BCAS1	chr20:52560078-52687304	1.04904	1
XLOC_002516	XLOC_002516	DNAJC9-AS1	chr10:75007124-75118617	1.04953	1
XLOC_011024	XLOC_011024	SNORD33	chr19:49990810-49995564	1.0497	0.999791
XLOC_013490	XLOC_013490	TMC2	chr20:2517252-2622430	1.05169	1
XLOC_014157	XLOC_014157	LOC100506385	chr21:36118121-36157168	1.05432	1
XLOC_002356	XLOC_002356	MEIG1	chr10:15001437-15014850	1.05467	1
XLOC_000429	XLOC_000429	FOXD3	chr1:63788729-63790797	1.05711	1
XLOC_002201	XLOC_002201	SUSD4	chr1:223394160-223537544	1.05754	0.865976
XLOC_008777	XLOC_008777	GLTPD2	chr17:4692253-4693884	1.05771	0.999791
XLOC_023832	XLOC_023832	SYN1	chrX:47420498-47479256	1.06116	1
XLOC_014535	XLOC_014535	APOL1	chr22:36649116-36663577	1.06172	1
XLOC_007509	XLOC_007509	ANKRD63	chr15:40573644-40574787	1.06342	1
XLOC_014957	XLOC_014957	FBLN2	chr3:13590624-13679922	1.06424	1
XLOC_005249	XLOC_005249	PIANP	chr12:6802956-6810009	1.06462	1
XLOC_010463	XLOC_010463	IZUMO4	chr19:2096867-2099583	1.06501	1
XLOC_007312	XLOC_007312	GOLGA6C	chr15:75550898-75565796	1.0678	1
XLOC_004823	XLOC_004823	CCDC65	chr12:49297892-49315359	1.06786	1
XLOC_020791	XLOC_020791	WEE2	chr7:141404137-141438030	1.06786	1
XLOC_005582	XLOC_005582	BEST3	chr12:70047388-70093196	1.06997	0.111388
XLOC_009436	XLOC_009436	AIP1	chr17:6327058-6338519	1.07325	1
XLOC_011692	XLOC_011692	B3GNT8	chr19:41931263-41934635	1.07406	1
XLOC_018057	XLOC_018057	EDN1	chr6:12290528-12297427	1.07463	1
XLOC_020691	XLOC_020691	GPR22	chr7:106809405-107218968	1.07642	1
XLOC_022699	XLOC_022699	FLJ40292	chr9:140513443-140730578	1.07977	1
XLOC_003351	XLOC_003351	KCNC1	chr11:17757494-17804602	1.07999	1
XLOC_022912	XLOC_022912	LOC440173	chr9:89623365-89657041	1.08111	1
XLOC_017356	XLOC_017356	SLC4A9	chr5:139739786-139754722	1.08165	1
XLOC_003688	XLOC_003688	KRTAP5-9	chr11:71259465-71260653	1.08321	1
XLOC_001975	XLOC_001975	APOA2	chr1:161192082-161193418	1.08392	0.999791
XLOC_004526	XLOC_004526	CRYAB	chr11:111779349-111782473	1.08424	1
XLOC_015454	XLOC_015454	KCNMB2	chr3:178254223-178562217	1.08926	1
XLOC_013292	XLOC_013292	C2orf66	chr2:197669138-197675000	1.08965	1
XLOC_000625	XLOC_000625	HSD3BP4	chr1:120106502-120115199	1.09233	1
XLOC_016507	XLOC_016507	SLC7A11-AS1	chr4:138948576-139163503	1.09389	1

XLOC_013483	XLOC_013483	RAD21L1	chr20:1206763-1235145	1.09542	1
XLOC_005507	XLOC_005507	DCD	chr12:55038374-55042149	1.09698	1
XLOC_014016	XLOC_014016	PREX1	chr20:47240792-4744420	1.09714	1
XLOC_007123	XLOC_007123	RYR3	chr15:33603176-34158303	1.10043	1
XLOC_000963	XLOC_000963	IGFN1	chr1:201159952-201198080	1.10163	1
XLOC_007682	XLOC_007682	LOC283731	chr15:74418713-74421619	1.10421	1
XLOC_009223	XLOC_009223	KCNH6	chr17:61600694-61626338	1.10589	1
XLOC_006526	XLOC_006526	HHIPL1	chr14:100111479-100143011	1.11115	1
XLOC_006105	XLOC_006105	SNORA31	chr13:45911303-45915297	1.11435	0.999791
XLOC_001592	XLOC_001592	WDR78	chr1:67278571-67390570	1.11631	1
XLOC_013534	XLOC_013534	MACROD2	chr20:13976145-16033841	1.11669	1
XLOC_006192	XLOC_006192	SLC15A1	chr13:99336054-99404929	1.11943	1
XLOC_000368	XLOC_000368	LURAP1	chr1:46654352-46686928	1.12274	1
XLOC_008183	XLOC_008183	TSNAXIP1	chr16:67841009-67861971	1.12378	1
XLOC_005187	XLOC_005187	GLT1D1	chr12:129338080-129469509	1.12526	1
XLOC_000412	XLOC_000412	TMEM61	chr1:55446464-55457966	1.12847	1
XLOC_004940	XLOC_004940	INHBC	chr12:57828542-57844609	1.12947	1
XLOC_004315	XLOC_004315	BATF2	chr1:64755416-64764517	1.13218	0.304629
XLOC_011091	XLOC_011091	ERVV-1	chr19:53517343-53519833	1.13329	1
XLOC_004560	XLOC_004560	CD3D	chr11:118209788-118213459	1.13772	1
XLOC_011389	XLOC_011389	MYO1F	chr19:8585673-8642331	1.13925	1
XLOC_021038	XLOC_021038	CAMK2B	chr7:44256748-44365230	1.13999	1
XLOC_002639	XLOC_002639	DNMBP-AS1	chr10:101635333-101769676	1.1421	1
XLOC_013284	XLOC_013284	STAT4	chr2:191894301-192016322	1.14483	1
XLOC_006638	XLOC_006638	AMN	chr14:103388992-103397179	1.14607	1
XLOC_006471	XLOC_006471	C14orf178	chr14:78183943-78236085	1.14648	1
XLOC_009391	XLOC_009391	LOC284009	chr17:2310274-2318730	1.14754	1
XLOC_016443	XLOC_016443	MTTP	chr4:100485239-100545154	1.14791	1
XLOC_006753	XLOC_006753	LOC100506071	chr14:31343740-31359822	1.14918	1
XLOC_001751	XLOC_001751	NBPF7	chr11:120377387-120387779	1.1533	1
XLOC_015693	XLOC_015693	TMEM89	chr3:48658274-48659189	1.15415	1
XLOC_018469	XLOC_018469	SLC35F1	chr6:118228688-118638839	1.15593	1
XLOC_005453	XLOC_005453	BIN2	chr12:51674821-51717938	1.15759	1
XLOC_018539	XLOC_018539	LOC100507557	chr6:145946439-146285233	1.15915	1
XLOC_021689	XLOC_021689	MATN2	chr8:98881310-99048946	1.16032	1
XLOC_022982	XLOC_022982	ALDOB	chr9:104182841-104198062	1.16056	1
XLOC_009936	XLOC_009936	ABCA9	chr17:66970772-67057136	1.16112	1
XLOC_008489	XLOC_008489	NUPR1	chr16:28548661-28550495	1.1623	0.119609
XLOC_003267	XLOC_003267	LOC100506082	chr11:4208381-4223883	1.16242	1
XLOC_000483	XLOC_000483	WDR63	chr1:85527992-85598821	1.16461	1
XLOC_005479	XLOC_005479	KRT79	chr12:53215230-53228077	1.16677	0.228313
XLOC_006491	XLOC_006491	SNORA11B	chr14:91580356-91691703	1.17448	1
XLOC_005884	XLOC_005884	CPB2-AS1	chr13:46626982-46679211	1.17602	1
XLOC_000715	XLOC_000715	LCE1B	chr1:152784446-152785585	1.17793	1
XLOC_011506	XLOC_011506	CYP4F2	chr19:15988833-16008884	1.17879	1
XLOC_013968	XLOC_013968	SNORA71D	chr20:37049238-37064018	1.17973	0.999791
XLOC_022495	XLOC_022495	TAL2	chr9:108424737-108425385	1.18058	1
XLOC_005266	XLOC_005266	C3AR1	chr12:8210918-8218955	1.18097	1
XLOC_009847	XLOC_009847	CACNA1G-AS1	chr17:48633567-48704832	1.18097	1
XLOC_023002	XLOC_023002	C9orf152	chr9:112961845-112970413	1.18645	1
XLOC_010540	XLOC_010540	C19orf59	chr19:7741942-7744719	1.18705	1
XLOC_011521	XLOC_011521	PLVAP	chr19:17462263-17488137	1.19127	1
XLOC_014752	XLOC_014752	RFPL1-AS1	chr22:29833003-29838444	1.19187	1
XLOC_021289	XLOC_021289	IQUB	chr7:123092235-123174718	1.19676	1
XLOC_022557	XLOC_022557	OLFML2A	chr9:127539436-127577159	1.19797	1
XLOC_023015	XLOC_023015	SLC46A2	chr9:115641199-115653193	1.20179	1
XLOC_008728	XLOC_008728	PABPN1L	chr16:88929747-88933068	1.20262	1
XLOC_018799	XLOC_018799	HLA-DOB	chr6:32780539-32784825	1.2032	1
XLOC_006881	XLOC_006881	DPF3	chr14:73136659-73360809	1.20354	1
XLOC_004063	XLOC_004063	SCUBE2	chr11:9041046-9113150	1.20377	1
XLOC_022459	XLOC_022459	LOC158435	chr9:98828120-98864194	1.20714	1
XLOC_009168	XLOC_009168	EPN3	chr17:48610047-48621111	1.20803	1
XLOC_015853	XLOC_015853	LOC100302640	chr3:106828636-106959485	1.20829	0.999791
XLOC_012101	XLOC_012101	LOC100505624	chr2:27548715-27579901	1.21279	1
XLOC_005310	XLOC_005310	TAS2R43	chr12:10998447-11328619	1.21405	1
XLOC_004171	XLOC_004171	SPI1	chr11:47376408-47400127	1.21749	1
XLOC_018190	XLOC_018190	HCP5	chr6:31430956-31433586	1.2248	1
XLOC_005755	XLOC_005755	HPD	chr12:122277432-122326517	1.22612	1
XLOC_006265	XLOC_006265	SLC39A2	chr14:21467413-21470034	1.22914	1
XLOC_009287	XLOC_009287	SMIM5	chr17:73584138-73663269	1.22928	1
XLOC_020718	XLOC_020718	WNT16	chr7:120965420-120981158	1.23081	1
XLOC_011085	XLOC_011085	ZNF528	chr19:52901120-52921657	1.23315	1
XLOC_002558	XLOC_002558	LDB3	chr10:88428205-88495824	1.24128	1
XLOC_005485	XLOC_005485	ITGB7	chr12:53585106-53601000	1.24172	1
XLOC_005787	XLOC_005787	RIMBP2	chr12:130880680-131002410	1.24239	1
XLOC_014349	XLOC_014349	RSPH1	chr21:43892596-43916401	1.24477	0.326135
XLOC_020957	XLOC_020957	STEAP1B	chr7:22459062-22539901	1.24593	1
XLOC_009619	XLOC_009619	SLFN13	chr17:33762114-33775856	1.24685	1
XLOC_003571	XLOC_003571	SLC22A9	chr11:63014620-63330855	1.24697	1

XLOC_013867	XLOC_013867	BFSP1	chr20:17474549-17539605	1.24853	0.149432
XLOC_018548	XLOC_018548	SUMO4	chr6:149639435-149732747	1.24883	1
XLOC_023857	XLOC_023857	FOXP3	chrX:49091926-49121288	1.25272	1
XLOC_010167	XLOC_010167	MEP1B	chr18:29769986-29800366	1.25307	1
XLOC_014395	XLOC_014395	CECR5-AS1	chr22:17618409-17646335	1.25536	0.999791
XLOC_021094	XLOC_021094	CALN1	chr7:71244475-71877360	1.25638	1
XLOC_004285	XLOC_004285	CHRM1	chr11:62676150-62689012	1.25799	1
XLOC_000729	XLOC_000729	S100A1	chr1:153591275-153618782	1.25873	0.999791
XLOC_018058	XLOC_018058	PHACTR1	chr6:12717036-13295818	1.25986	1
XLOC_013554	XLOC_013554	C20orf26	chr20:20015011-20341346	1.26064	1
XLOC_013089	XLOC_013089	EDAR	chr2:109510926-109605828	1.26103	1
XLOC_006065	XLOC_006065	MINOS1P1	chr13:33006929-33112936	1.26521	1
XLOC_000398	XLOC_000398	ZYG11A	chr1:53308182-53360247	1.26704	1
XLOC_001757	XLOC_001757	PPIAL4G	chr1:143767143-143767881	1.26976	1
XLOC_020357	XLOC_020357	OCM	chr7:5920428-5925994	1.27142	1
XLOC_018562	XLOC_018562	MYCT1	chr6:153019029-153045715	1.27373	1
XLOC_010650	XLOC_010650	CYP4F3	chr19:15751706-15771570	1.27862	1
XLOC_009759	XLOC_009759	LINC00854	chr17:41373436-41381062	1.2831	1
XLOC_018589	XLOC_018589	PLG	chr6:161123224-161175085	1.28456	1
XLOC_020736	XLOC_020736	FAM71F2	chr7:128312345-128323379	1.28831	1
XLOC_016451	XLOC_016451	ARHGEF38	chr4:106473776-106602070	1.28926	1
XLOC_000357	XLOC_000357	BTBD19	chr1:45274153-45279801	1.29721	1
XLOC_009703	XLOC_009703	KRTAP4-6	chr17:39295684-39296739	1.29865	1
XLOC_004573	XLOC_004573	MCAM	chr11:119179233-119187840	1.30149	1
XLOC_015895	XLOC_015895	HGD	chr3:120347014-120401418	1.30255	1
XLOC_008430	XLOC_008430	PLA2G10	chr16:14766404-14788526	1.30338	1
XLOC_022564	XLOC_022564	LMX1B	chr9:129376721-129463311	1.30614	1
XLOC_000003	XLOC_000003	LOC100132062,LOC100133331	chr1:323891-328581	1.30837	1
XLOC_014217	XLOC_014217	ITGB2-AS1	chr21:46305867-46349595	1.30959	1
XLOC_000996	XLOC_000996	NFASC	chr1:204797781-204991950	1.31123	1
XLOC_022877	XLOC_022877	LOC100507299	chr9:72658496-72873790	1.31608	1
XLOC_000712	XLOC_000712	LCE1F	chr1:152748847-152749445	1.31888	1
XLOC_002475	XLOC_002475	ZNF365	chr10:64133915-64431771	1.32036	1
XLOC_001343	XLOC_001343	LOC729059	chr1:23337326-23342343	1.32139	1
XLOC_014917	XLOC_014917	CNTN4	chr3:2140549-3099645	1.32188	1
XLOC_021560	XLOC_021560	ADAM32	chr8:38965049-39142436	1.32257	1
XLOC_005068	XLOC_005068	CHST11	chr12:104850691-105155792	1.3239	1
XLOC_008697	XLOC_008697	SLC38A8	chr16:84043388-84075762	1.327	1
XLOC_016825	XLOC_016825	PLAC8	chr4:84011210-84035911	1.33045	1
XLOC_011351	XLOC_011351	ACER1	chr19:6306509-6333640	1.33536	0.244149
XLOC_013402	XLOC_013402	SLC19A3	chr2:228549925-228582745	1.3357	1
XLOC_018491	XLOC_018491	C6orf58	chr6:127898318-127912963	1.34046	1
XLOC_002738	XLOC_002738	FLJ46361	chr10:124516209-124557161	1.34743	1
XLOC_003376	XLOC_003376	BDNF-AS	chr11:27528398-27743605	1.34743	1
XLOC_007674	XLOC_007674	HIGD2B	chr15:72968122-72978490	1.34783	1
XLOC_005679	XLOC_005679	TMEM119	chr12:108983621-108991894	1.34853	1
XLOC_008147	XLOC_008147	CCDC135	chr16:57728712-57765367	1.35003	1
XLOC_003977	XLOC_003977	SLC22A18AS	chr11:2909326-2946476	1.35336	0.999791
XLOC_006835	XLOC_006835	GPR135	chr14:59930239-59932059	1.35384	1
XLOC_002186	XLOC_002186	LOC643723	chr1:219254316-219347130	1.35713	1
XLOC_003309	XLOC_003309	NLRP14	chr11:7041699-7092757	1.35844	1
XLOC_023021	XLOC_023021	RNF183	chr9:116059372-116061320	1.36252	1
XLOC_000205	XLOC_000205	LIN28A	chr1:26737268-26756219	1.36442	1
XLOC_005355	XLOC_005355	CASC1	chr12:25205180-25348094	1.36503	1
XLOC_014108	XLOC_014108	CXADR	chr21:18885223-18965897	1.36633	1
XLOC_016385	XLOC_016385	C4orf26	chr4:76481257-76491103	1.36776	1
XLOC_015217	XLOC_015217	ORSK2	chr3:98216524-98217475	1.37044	1
XLOC_014390	XLOC_014390	LOC101101776	chr22:16162065-16172265	1.37716	1
XLOC_005901	XLOC_005901	DLEU7-AS1	chr13:51286758-51424041	1.37891	1
XLOC_017316	XLOC_017316	CCNI2	chr5:132083136-132113561	1.38242	1
XLOC_006468	XLOC_006468	SAMD15	chr14:77843761-77857587	1.38285	1
XLOC_014496	XLOC_014496	NEFH	chr22:29876180-29887277	1.38291	1
XLOC_007862	XLOC_007862	SNORA78	chr16:2014996-2015505	1.38501	0.999791
XLOC_014029	XLOC_014029	NFATC2	chr20:50003493-50179370	1.38506	1
XLOC_008439	XLOC_008439	XYLT1	chr16:17196180-17564738	1.38853	1
XLOC_008187	XLOC_008187	NRN1L	chr16:67918780-67920271	1.39092	1
XLOC_023293	XLOC_023293	PHEX	chrX:22050920-22266478	1.39999	1
XLOC_002570	XLOC_002570	CFL1P1	chr10:89578069-89605369	1.40073	1
XLOC_014875	XLOC_014875	EFCAB6	chr22:43912133-44208217	1.40158	1
XLOC_003596	XLOC_003596	LOC100996455	chr11:64216528-64219128	1.40222	1
XLOC_015140	XLOC_015140	STAB1	chr3:52529355-52569093	1.40263	1
XLOC_011571	XLOC_011571	ZNF99	chr19:22934984-22966973	1.40465	1
XLOC_013412	XLOC_013412	HTR2B	chr2:231921577-232037540	1.41112	1
XLOC_003141	XLOC_003141	NRAP	chr10:115310589-115423829	1.41215	1
XLOC_009483	XLOC_009483	KRBA2	chr17:8271972-8274858	1.41352	1
XLOC_005686	XLOC_005686	FOXN4	chr12:109715782-109747025	1.41388	1
XLOC_007320	XLOC_007320	C15orf27	chr15:76352298-76497304	1.41766	1
XLOC_005816	XLOC_005816	TPTE2P6	chr13:25154345-25171812	1.41816	1
XLOC_000056	XLOC_000056	TAS1R1	chr1:6615337-6639817	1.42003	1

XLOC_006053	XLOC_006053	MTUS2-AS1	chr13:29598747-30080084	1.42596	1
XLOC_017397	XLOC_017397	KCTD16	chr5:143550436-143856944	1.42608	1
XLOC_002170	XLOC_002170	RD3	chr1:211649863-211666259	1.43284	1
XLOC_009689	XLOC_009689	KRTAP3-3	chr17:39149681-39150385	1.43466	1
XLOC_018043	XLOC_018043	PIP5K1P1	chr6:7727010-8102828	1.43557	1
XLOC_007563	XLOC_007563	MYEF2	chr15:48413168-48470558	1.437	1
XLOC_017232	XLOC_017232	GPR98	chr5:89854616-90460033	1.43824	1
XLOC_013026	XLOC_013026	CD8A	chr2:87011727-87035519	1.43917	1
XLOC_011934	XLOC_011934	NLRP12	chr19:54296854-54327648	1.44039	1
XLOC_003133	XLOC_003133	LOC100505933	chr10:111705316-111895323	1.44267	1
XLOC_005301	XLOC_005301	TAS2R10	chr12:10977944-10978868	1.44322	1
XLOC_017574	XLOC_017574	SEMA5A	chr5:9035137-9546233	1.44324	1
XLOC_008618	XLOC_008618	EXOC3L1	chr16:67218281-67224107	1.44347	1
XLOC_018524	XLOC_018524	ECT2L	chr6:139117247-139225207	1.45346	1
XLOC_011373	XLOC_011373	FCER2	chr19:7753642-7767032	1.4567	1
XLOC_021285	XLOC_021285	RNF133	chr7:121958477-122526813	1.45795	1
XLOC_001519	XLOC_001519	RPS15AP10	chr1:46092975-46152302	1.46212	1
XLOC_018716	XLOC_018716	LOC401242	chr6:28827401-28831454	1.46275	1
XLOC_010162	XLOC_010162	DSG3	chr18:29027731-29058665	1.469	1
XLOC_018379	XLOC_018379	DDX43	chr6:74104284-74127289	1.47388	1
XLOC_006271	XLOC_006271	RPGRIP1	chr14:21756135-21819460	1.47663	1
XLOC_012084	XLOC_012084	CCDC164	chr2:26624783-26679579	1.4819	1
XLOC_022529	XLOC_022529	LOC100288842	chr9:123555774-123561009	1.4848	0.735322
XLOC_003126	XLOC_003126	COL17A1	chr10:105791045-105845638	1.4872	1
XLOC_018404	XLOC_018404	C6orf165	chr6:88117689-88174191	1.49106	1
XLOC_015884	XLOC_015884	LSAMP	chr3:115521209-116164385	1.49802	1
XLOC_016516	XLOC_016516	IL15	chr4:142557748-142655140	1.50023	1
XLOC_003166	XLOC_003166	WDR11-AS1	chr10:122216465-122806858	1.50728	1
XLOC_023591	XLOC_023591	SOWAHD	chrX:118892575-118894165	1.51565	1
XLOC_017842	XLOC_017842	LRRTM2	chr5:138089106-138270723	1.51597	1
XLOC_006261	XLOC_006261	RNASE3	chr14:21359561-21360507	1.52082	1
XLOC_011408	XLOC_011408	QLFM2	chr19:9964393-10047070	1.52322	1
XLOC_011011	XLOC_011011	CGB5	chr19:49547101-49548568	1.52675	0.999791
XLOC_009846	XLOC_009846	CHAD	chr17:48503518-48552200	1.52816	1
XLOC_011464	XLOC_011464	KLF1	chr19:12995236-12998017	1.52826	1
XLOC_008328	XLOC_008328	SSTR5-AS1	chr16:1114081-11314454	1.52927	1
XLOC_002560	XLOC_002560	SNCG	chr10:88718287-88723017	1.52992	1
XLOC_005454	XLOC_005454	CELA1	chr12:51722226-51740463	1.53045	1
XLOC_005690	XLOC_005690	TRPV4	chr12:110220891-110271241	1.53291	1
XLOC_000566	XLOC_000566	GPR61	chr1:110082493-110084855	1.53395	1
XLOC_011059	XLOC_011059	ACPT	chr19:51293671-51298481	1.54334	1
XLOC_014536	XLOC_014536	NCF4	chr22:37257029-37274059	1.54683	1
XLOC_014142	XLOC_014142	C21orf49	chr21:34144410-34186053	1.5469	1
XLOC_014765	XLOC_014765	SDC4P	chr22:30877276-30877743	1.54832	1
XLOC_006051	XLOC_006051	FLT1	chr13:28874482-29069265	1.55019	1
XLOC_006653	XLOC_006653	C14orf180	chr14:105046055-105056183	1.55129	1
XLOC_014833	XLOC_014833	PDGFB	chr22:39619684-39640957	1.55229	1
XLOC_004382	XLOC_004382	FLJ42102	chr17:71116791-71134400	1.55718	1
XLOC_004858	XLOC_004858	LINC00592	chr12:52604713-52617597	1.56246	1
XLOC_001348	XLOC_001348	TCEA3	chr1:23707554-23751261	1.56361	1
XLOC_008291	XLOC_008291	LOC400558	chr16:89232790-89235555	1.5656	1
XLOC_014768	XLOC_014768	GAL3ST1	chr22:30950623-30960876	1.56861	1
XLOC_015976	XLOC_015976	PRR23C	chr3:138760943-138763734	1.57052	1
XLOC_009910	XLOC_009910	SCN4A	chr17:62015913-62050278	1.57137	1
XLOC_009562	XLOC_009562	NOS2	chr17:26083791-26127555	1.57728	1
XLOC_009621	XLOC_009621	SLFN14	chr17:33875143-33885110	1.58017	1
XLOC_011489	XLOC_011489	EMR2	chr19:14843508-14889353	1.5812	1
XLOC_008804	XLOC_008804	BCL6B	chr17:6926368-6932961	1.58189	1
XLOC_014122	XLOC_014122	C21orf7	chr21:30452872-30548202	1.58444	1
XLOC_005979	XLOC_005979	METTL21EP	chr13:103532448-103548383	1.58496	1
XLOC_003986	XLOC_003986	OR7E12P	chr11:3402190-3430378	1.58664	1
XLOC_013500	XLOC_013500	GNRH2	chr20:3024267-3026391	1.5908	1
XLOC_012114	XLOC_012114	PLB1	chr2:28718937-28866653	1.59195	1
XLOC_010754	XLOC_010754	TDRD12	chr19:33210678-33281714	1.59283	1
XLOC_011711	XLOC_011711	CEACAM8	chr19:42901299-43156507	1.59407	1
XLOC_015492	XLOC_015492	C3orf65	chr3:185361526-185542827	1.59606	1
XLOC_019174	XLOC_019174	PARK2	chr6:161768589-163745505	1.59798	1
XLOC_013044	XLOC_013044	ASTL	chr2:96789588-96804175	1.60109	1
XLOC_014222	XLOC_014222	PCBP3	chr21:47269874-47362368	1.6037	1
XLOC_016030	XLOC_016030	LOC339894	chr3:156799455-156840791	1.61572	1
XLOC_024115	XLOC_024115	FGF13	chrX:137713733-138287185	1.61708	1
XLOC_008738	XLOC_008738	C16orf3	chr16:90089007-90114191	1.61791	1
XLOC_007253	XLOC_007253	SLC51B	chr15:65337707-65360388	1.61972	1
XLOC_016533	XLOC_016533	MAB21L2	chr4:151185810-151936649	1.62317	1
XLOC_003947	XLOC_003947	SCT	chr11:626312-6271173	1.63898	1
XLOC_011825	XLOC_011825	CGB	chr19:49526125-49527632	1.6496	1
XLOC_005897	XLOC_005897	CTAGE10P	chr13:50464544-50467516	1.64998	1
XLOC_014846	XLOC_014846	CHADL	chr22:41601312-41636935	1.65004	1
XLOC_016212	XLOC_016212	AFAP1-AS1	chr4:7755816-7941653	1.65017	1

XLOC_008404	XLOC_008404	PPL	chr16:4932507-4987136	1.65133	1
XLOC_012037	XLOC_012037	RSAD2	chr2:7017795-7038363	1.65172	1
XLOC_001960	XLOC_001960	CD84	chr1:160510883-160549306	1.65758	1
XLOC_020449	XLOC_020449	LOC100506776	chr7:38381177-38418238	1.66448	1
XLOC_011675	XLOC_011675	CNTD2	chr19:40728114-40732597	1.66533	1
XLOC_015049	XLOC_015049	CCBP2	chr3:42850963-42908775	1.6691	1
XLOC_011189	XLOC_011189	SSC5D	chr19:55999869-56030466	1.66968	1
XLOC_012377	XLOC_012377	FBLN7	chr2:112895961-112945791	1.6726	1
XLOC_007776	XLOC_007776	ANPEP	chr15:90328125-90358072	1.68468	1
XLOC_011301	XLOC_011301	DIRAS1	chr19:2714564-2721390	1.69052	1
XLOC_004608	XLOC_004608	ROBO4	chr11:124754113-124767831	1.69542	1
XLOC_013313	XLOC_013313	MPP4	chr2:202509596-202563417	1.7043	1
XLOC_015758	XLOC_015758	SEMA3G	chr3:52467267-52479043	1.70657	1
XLOC_021884	XLOC_021884	SGCZ	chr8:13947372-15095792	1.71011	1
XLOC_015021	XLOC_015021	SLC22A13	chr3:38307297-38319806	1.71201	1
XLOC_004491	XLOC_004491	MMP10	chr11:102641232-102651359	1.71996	1
XLOC_013874	XLOC_013874	LINC00652	chr20:18768614-18776709	1.72351	1
XLOC_005635	XLOC_005635	USP44	chr12:95910887-95945263	1.72522	1
XLOC_000283	XLOC_000283	TEKT2	chr1:36549675-36553876	1.7256	1
XLOC_018048	XLOC_018048	GCNT2	chr6:10521567-10629601	1.73163	1
XLOC_004928	XLOC_004928	SLC39A5	chr12:56623819-56652143	1.73638	1
XLOC_023718	XLOC_023718	SNORA36A	chrX:153991030-154005964	1.7419	0.999791
XLOC_013944	XLOC_013944	GDF5	chr20:34021148-34026027	1.74229	1
XLOC_013967	XLOC_013967	SNORA71C	chr20:37049238-37064018	1.74245	0.999791
XLOC_015274	XLOC_015274	UPK1B	chr3:118892424-118924000	1.74365	1
XLOC_022876	XLOC_022876	LOC100507244	chr9:72658496-72873790	1.74694	1
XLOC_017008	XLOC_017008	SPATA4	chr4:177105724-177116822	1.74701	1
XLOC_003312	XLOC_003312	OLFML1	chr11:7506599-7532606	1.74871	1
XLOC_018836	XLOC_018836	SLC26A8	chr6:35911290-35992413	1.75392	1
XLOC_001713	XLOC_001713	LOC100129269	chr11:112141628-112150940	1.75464	1
XLOC_012072	XLOC_012072	MFS2B	chr2:24232952-24247145	1.76046	1
XLOC_005581	XLOC_005581	LRRC10	chr12:70002344-70004942	1.76205	1
XLOC_008127	XLOC_008127	MT1H	chr16:56703725-56705041	1.7634	1
XLOC_015872	XLOC_015872	CD200R1	chr3:112641531-112693937	1.76346	1
XLOC_011169	XLOC_011169	LILRB1	chr19:55128628-55149004	1.76715	1
XLOC_009677	XLOC_009677	KRT222	chr17:38811871-38821416	1.7694	1
XLOC_009038	XLOC_009038	GSDMA	chr17:38119225-38134019	1.77267	1
XLOC_011381	XLOC_011381	FBN3	chr19:8130286-8212385	1.77516	1
XLOC_010458	XLOC_010458	PLK5	chr19:1524072-1535455	1.77528	1
XLOC_023068	XLOC_023068	NR5A1	chr9:127243514-127269699	1.78808	1
XLOC_021355	XLOC_021355	FLJ40852	chr7:141404137-141438030	1.79045	1
XLOC_012157	XLOC_012157	PLEKHH2	chr2:43864438-43995126	1.79481	1
XLOC_015795	XLOC_015795	PTPRG-AS1	chr3:61547242-62304622	1.79652	1
XLOC_015257	XLOC_015257	CD200	chr3:112051915-112081658	1.79708	1
XLOC_023895	XLOC_023895	UQCRBP1	chrX:56755717-56844004	1.80427	1
XLOC_002626	XLOC_002626	HOGA1	chr10:99344101-99372555	1.80475	1
XLOC_011995	XLOC_011995	ZNF671	chr19:58231118-58238995	1.80558	1
XLOC_021394	XLOC_021394	TMEM176B	chr7:150488375-150502208	1.80695	1
XLOC_005612	XLOC_005612	C12orf50	chr12:88373815-88423176	1.81089	1
XLOC_011549	XLOC_011549	TM6SF2	chr19:19375173-19384074	1.81469	1
XLOC_009294	XLOC_009294	ZACN	chr17:74075262-74099868	1.81811	1
XLOC_023299	XLOC_023299	CXorf58	chrX:23926122-23957624	1.81866	1
XLOC_002713	XLOC_002713	PNLIPRP1	chr10:118350489-118368686	1.81957	1
XLOC_009674	XLOC_009674	TNS4	chr17:38632079-38657854	1.82385	1
XLOC_018567	XLOC_018567	CLDN20	chr6:155411422-155635617	1.82508	1
XLOC_011710	XLOC_011710	CEACAM1	chr19:42901299-43156507	1.83282	1
XLOC_013640	XLOC_013640	NNAT	chr20:36145818-36156333	1.83499	1
XLOC_007124	XLOC_007124	CHRM5	chr15:34158427-34357287	1.85941	1
XLOC_010687	XLOC_010687	SNORA68	chr19:17970686-17974133	1.86178	0.999791
XLOC_011053	XLOC_011053	MYBPC2	chr19:50936159-50969583	1.86282	1
XLOC_006921	XLOC_006921	STON2	chr14:81726993-81893748	1.8764	1
XLOC_011608	XLOC_011608	HSPB6	chr19:36245466-36247930	1.88228	1
XLOC_005539	XLOC_005539	MYO1A	chr12:57422300-57444549	1.89168	1
XLOC_009661	XLOC_009661	STAC2	chr17:37366788-37382040	1.89218	1
XLOC_001621	XLOC_001621	UOX	chr1:84830640-84863576	1.90135	1
XLOC_012636	XLOC_012636	RUFY4	chr2:218899656-218955304	1.90731	1
XLOC_024180	XLOC_024180	L1CAM	chrX:153126970-153141399	1.92513	1
XLOC_001832	XLOC_001832	FLG	chr1:152274650-152297679	1.93547	1
XLOC_009778	XLOC_009778	ITGA2B	chr17:42449549-42466873	1.93746	1
XLOC_001997	XLOC_001997	GPA33	chr1:167022081-167059868	1.94008	1
XLOC_003261	XLOC_003261	LOC650368	chr11:3402190-3430378	1.9416	1
XLOC_009578	XLOC_009578	NARR,RAB34	chr17:27041298-27045286	1.94293	1
XLOC_015085	XLOC_015085	NRADDP	chr3:47053031-47054957	1.94318	1
XLOC_005496	XLOC_005496	LOC100240735	chr12:54452037-54516018	1.9465	1
XLOC_011369	XLOC_011369	LOC100128573	chr19:7537722-7538247	1.95779	1
XLOC_002405	XLOC_002405	GJD4	chr10:35894337-35897863	1.95891	1
XLOC_017717	XLOC_017717	CRSP8P	chr5:79646423-79647785	1.96326	1
XLOC_008917	XLOC_008917	LOC100287072	chr17:20615758-20641178	1.97004	1
XLOC_013808	XLOC_013808	SLC52A3	chr20:740723-749228	1.98786	1

XLOC_018816	XLOC_018816	LINC00336	chr6:33551475-33561115	2.00464	1
XLOC_015174	XLOC_015174	PRICKLE2-AS3	chr3:64053639-64211131	2.00702	1
XLOC_014120	XLOC_014120	LINC00161	chr21:29911639-29912677	2.01045	1
XLOC_013070	XLOC_013070	AFF3	chr2:100163715-100759037	2.01099	1
XLOC_012637	XLOC_012637	CXCR2	chr2:218990012-219001976	2.01291	1
XLOC_009234	XLOC_009234	MILR1	chr17:62461568-62464760	2.02834	1
XLOC_013411	XLOC_013411	LOC348761	chr2:231849082-231860747	2.03484	1
XLOC_010041	XLOC_010041	PPP1R27	chr17:79791367-79792926	2.04704	1
XLOC_000448	XLOC_000448	IL12RB2	chr1:67773046-67862583	2.0519	1
XLOC_010388	XLOC_010388	CCBE1	chr18:57098170-57364644	2.07092	1
XLOC_007504	XLOC_007504	FSIP1	chr15:39892231-40075039	2.07256	1
XLOC_021301	XLOC_021301	LRRC4	chr7:127292201-127732659	2.07408	1
XLOC_018596	XLOC_018596	CCR6	chr6:167525294-167552629	2.07415	1
XLOC_022598	XLOC_022598	PHYHD1	chr9:131683173-131704320	2.0785	1
XLOC_013589	XLOC_013589	CCM2L	chr20:30598244-30619984	2.08074	1
XLOC_003000	XLOC_003000	SYNPO2L	chr10:75404643-75415832	2.08093	1
XLOC_002254	XLOC_002254	SNORA14B	chr1:235272657-235292256	2.08715	0.999791
XLOC_014567	XLOC_014567	APOBEC3H	chr22:39493228-39500072	2.0908	1
XLOC_018318	XLOC_018318	RSPH9	chr6:43612766-43638748	2.10302	1
XLOC_021886	XLOC_021886	MSR1	chr8:15965386-16050300	2.10628	1
XLOC_018007	XLOC_018007	FLT4	chr5:180028505-180076624	2.10653	1
XLOC_014165	XLOC_014165	DSCR6	chr21:38378862-38391958	2.11319	1
XLOC_001634	XLOC_001634	COL24A1	chr1:86194915-86622121	2.11618	1
XLOC_003421	XLOC_003421	TSPAN18	chr11:44785975-44972857	2.12106	1
XLOC_016056	XLOC_016056	LOC100128164	chr3:169661771-169684522	2.12165	1
XLOC_021331	XLOC_021331	SLC13A4	chr7:135365986-135412933	2.12404	1
XLOC_000352	XLOC_000352	SNORD55	chr1:45241245-45244412	2.1245	0.999791
XLOC_001773	XLOC_001773	LOC728989	chr1:146490894-146514599	2.15384	1
XLOC_011324	XLOC_011324	TMIGD2	chr19:4292224-4302428	2.15759	1
XLOC_004453	XLOC_004453	NOX4	chr11:89057521-89322779	2.16838	1
XLOC_010296	XLOC_010296	MC2R	chr18:13882042-13915535	2.17082	1
XLOC_006086	XLOC_006086	LINC00598	chr13:40921270-41055143	2.17337	1
XLOC_010244	XLOC_010244	LOC100505817	chr18:70992175-71017124	2.17958	1
XLOC_004632	XLOC_004632	OPCML	chr11:132284874-133402403	2.1914	1
XLOC_011318	XLOC_011318	MIR637	chr19:3958451-3969826	2.19865	0.999791
XLOC_014835	XLOC_014835	SNORD83B	chr22:39708886-39715670	2.19884	0.999791
XLOC_013668	XLOC_013668	GDAP1L1	chr20:42875738-42909557	2.20006	1
XLOC_002178	XLOC_002178	C1orf227	chr1:213003484-213020991	2.20023	1
XLOC_012832	XLOC_012832	CIB4	chr2:26804072-26864211	2.20182	1
XLOC_012120	XLOC_012120	FAM179A	chr2:29204163-29275096	2.20228	1
XLOC_004347	XLOC_004347	CCDC87	chr11:66357639-66360554	2.20868	1
XLOC_011906	XLOC_011906	HAS1	chr19:52216364-52227221	2.21158	1
XLOC_024198	XLOC_024198	FAM223B	chrX:153860738-153861448	2.21194	1
XLOC_012039	XLOC_012039	LOC100506274	chr2:7561391-7590381	2.21616	1
XLOC_011985	XLOC_011985	ZNF667	chr19:56950692-56988770	2.22746	1
XLOC_021933	XLOC_021933	NUGGC	chr8:27879480-27941388	2.22789	1
XLOC_017352	XLOC_017352	PSD2	chr5:139175405-139224048	2.23387	1
XLOC_002378	XLOC_002378	SPAG6	chr10:22634373-22706539	2.2347	1
XLOC_011204	XLOC_011204	ZNF582-AS1	chr19:56905044-56910544	2.23503	1
XLOC_013352	XLOC_013352	MARCH4	chr2:217122584-217236750	2.24148	1
XLOC_014662	XLOC_014662	CECR1	chr22:17660191-17690779	2.26071	1
XLOC_003590	XLOC_003590	TEX40	chr11:64067862-64072239	2.266	1
XLOC_002126	XLOC_002126	LOC730227	chr1:203267885-203274453	2.2719	1
XLOC_021985	XLOC_021985	SNAI2	chr8:49830238-49833999	2.2737	1
XLOC_008344	XLOC_008344	MEIOB	chr16:1877224-1922179	2.27439	1
XLOC_004805	XLOC_004805	PDZRN4	chr12:41582249-41968392	2.27718	1
XLOC_005203	XLOC_005203	P2RX2	chr12:133195402-133198972	2.27851	1
XLOC_004988	XLOC_004988	KCNMB4	chr12:70760061-70828072	2.27988	1
XLOC_000554	XLOC_000554	FNDC7	chr1:109255555-109285367	2.28093	1
XLOC_021872	XLOC_021872	FAM90A2P	chr8:12030962-12034776	2.28814	1
XLOC_011712	XLOC_011712	PSG3	chr19:43225793-43244668	2.28817	1
XLOC_002363	XLOC_002363	TMEM236	chr10:17794259-17842866	2.29155	1
XLOC_002627	XLOC_002627	C10orf62	chr10:99344101-99372555	2.29407	1
XLOC_017992	XLOC_017992	GRM6	chr5:178405329-178422124	2.29439	1
XLOC_008258	XLOC_008258	NECAB2	chr16:84002236-84036379	2.30164	0.842042
XLOC_006426	XLOC_006426	LOC145474	chr14:71954577-71956420	2.30468	1
XLOC_009840	XLOC_009840	SAMD14	chr17:48172100-48207246	2.33045	1
XLOC_002976	XLOC_002976	NODAL	chr10:72191691-72201465	2.33114	1
XLOC_009727	XLOC_009727	KRT16	chr17:39766030-39769079	2.33164	1
XLOC_013896	XLOC_013896	GGTLC1	chr20:23965689-23969416	2.33188	1
XLOC_000581	XLOC_000581	PROK1	chr1:110993787-110999976	2.33341	1
XLOC_020385	XLOC_020385	ITGB8	chr7:20370724-20455382	2.33471	1
XLOC_018246	XLOC_018246	GGNBP1	chr6:33551475-33561115	2.33855	1
XLOC_009896	XLOC_009896	TBC1D3P2	chr17:60342066-60353016	2.34695	1
XLOC_023425	XLOC_023425	TRO	chrX:54946995-54957866	2.35538	1
XLOC_023924	XLOC_023924	INGX	chrX:70430034-70948962	2.35823	1
XLOC_005329	XLOC_005329	GUCY2C	chr12:14765567-14849519	2.36266	1
XLOC_018591	XLOC_018591	PACRG	chr6:161768589-163745505	2.37294	1
XLOC_008381	XLOC_008381	MEFV	chr16:3292027-3306627	2.37907	1

XLOC_019039	XLOC_019039	GSTM2P1	chr6:111367621-111368757	2.38482	1
XLOC_016695	XLOC_016695	PPARGC1A	chr4:23793643-23891700	2.39847	1
XLOC_008920	XLOC_008920	KCNJ12,KCNJ18	chr17:21279698-21323179	2.40525	1
XLOC_022237	XLOC_022237	SCRT1	chr8:145554453-145559943	2.42614	1
XLOC_001027	XLOC_001027	TRAF3IP3	chr1:209929393-209957890	2.4268	1
XLOC_013345	XLOC_013345	LOC100130451	chr2:214141276-214148929	2.42937	1
XLOC_007558	XLOC_007558	DUOX2	chr15:45384851-45406359	2.44498	1
XLOC_003198	XLOC_003198	FLJ46300	chr10:133604733-133622535	2.46837	1
XLOC_009690	XLOC_009690	KRTAP3-2	chr17:39155444-39156138	2.47052	1
XLOC_005364	XLOC_005364	C12orf71	chr12:27233989-27235455	2.4731	1
XLOC_014301	XLOC_014301	C21orf62	chr21:34144410-34186053	2.48272	1
XLOC_009952	XLOC_009952	CD300C	chr17:72537204-72542310	2.48768	1
XLOC_003345	XLOC_003345	INSC	chr11:15133969-15268754	2.49368	1
XLOC_004302	XLOC_004302	NRXN2	chr11:64373645-64490660	2.49935	1
XLOC_010998	XLOC_010998	SPACA4	chr19:49103856-49116694	2.51062	1
XLOC_012274	XLOC_012274	SH2D6	chr2:85661917-85664152	2.51158	1
XLOC_005431	XLOC_005431	DHH	chr12:49483205-49488602	2.54203	1
XLOC_001193	XLOC_001193	TNFRSF4	chr1:1146705-1149548	2.55035	1
XLOC_013225	XLOC_013225	CCDC173	chr2:170501934-170550931	2.55461	1
XLOC_000160	XLOC_000160	LDLRAD2	chr1:22138757-22263750	2.55597	1
XLOC_021217	XLOC_021217	PCOLCE-AS1	chr7:100183955-100205798	2.5565	1
XLOC_022212	XLOC_022212	LOC100133669	chr8:144063447-144099807	2.56485	1
XLOC_017764	XLOC_017764	TMEM232	chr5:109755197-110062450	2.59007	1
XLOC_010415	XLOC_010415	LOC100131655	chr18:74506687-74534251	2.59667	1
XLOC_014679	XLOC_014679	CLDN5	chr22:19510546-19512660	2.62324	1
XLOC_003025	XLOC_003025	GRID1	chr10:87337487-88126250	2.62637	1
XLOC_015316	XLOC_015316	KBTBD12	chr3:127641901-127706514	2.63599	1
XLOC_000898	XLOC_000898	PAPPA2	chr1:176432306-176811970	2.65234	1
XLOC_016204	XLOC_016204	S100P	chr4:6695565-6698897	2.67669	1
XLOC_011640	XLOC_011640	WDR87	chr19:38375471-38397317	2.67718	1
XLOC_007982	XLOC_007982	SNX29P1	chr16:21360683-21397254	2.69104	1
XLOC_023971	XLOC_023971	PCDH19	chrX:99546641-99665271	2.70007	1
XLOC_021316	XLOC_021316	MESTIT1	chr7:130126015-130371406	2.71898	1
XLOC_018866	XLOC_018866	TREM1	chr6:41242998-41254457	2.73921	1
XLOC_003012	XLOC_003012	KCNMA1	chr10:78629358-79397577	2.74755	1
XLOC_020397	XLOC_020397	RPS2P32	chr7:23530006-23531031	2.75218	1
XLOC_007797	XLOC_007797	CERS3	chr15:100940599-101084925	2.76115	1
XLOC_017065	XLOC_017065	ADAMTS16	chr5:5140442-5320412	2.76797	1
XLOC_022934	XLOC_022934	OGN	chr9:95059639-95432547	2.77398	1
XLOC_016966	XLOC_016966	ANXA2P1	chr4:154074269-154260474	2.77775	1
XLOC_005158	XLOC_005158	LOC100507066	chr12:122755980-122907116	2.78566	1
XLOC_017712	XLOC_017712	DMGDH	chr5:78293428-78365449	2.78875	1
XLOC_013322	XLOC_013322	GPR1	chr2:207040041-207082771	2.85222	1
XLOC_000954	XLOC_000954	CRB1	chr1:197170591-197447585	2.90256	1
XLOC_009196	XLOC_009196	BZRAP1-AS1	chr17:56378587-56494931	2.9162	1
XLOC_018768	XLOC_018768	LY6G6C	chr6:31686424-31689511	2.92448	1
XLOC_018115	XLOC_018115	HCG11	chr6:26521933-26527612	3.00276	1
XLOC_021142	XLOC_021142	SEMA3E	chr7:82993221-83278479	3.02321	1
XLOC_014291	XLOC_014291	TIAM1	chr21:32490735-32931290	3.03189	1
XLOC_010950	XLOC_010950	LOC388553	chr19:46242887-46262748	3.06387	1
XLOC_023313	XLOC_023313	MAGEB2	chrX:30233674-30238206	3.45011	0.108247
XLOC_012443	XLOC_012443	GPR39	chr2:133174146-133429070	3.54915	1
XLOC_018126	XLOC_018126	LOC100507173	chr6:27661813-27678001	3.62286	1
XLOC_016710	XLOC_016710	TMEM156	chr4:38968440-39034041	3.84782	1
XLOC_009884	XLOC_009884	TBC1D3P1-DHX40P1	chr17:58053384-58096336	3.88606	1
XLOC_011316	XLOC_011316	ZFR2	chr19:3804021-3869027	3.9753	1
XLOC_016136	XLOC_016136	MUC4	chr3:195473637-195538844	4.25149	1
XLOC_000001	XLOC_000001	DDX11L1	chr1:11873-29370	inf	1
XLOC_000128	XLOC_000128	CLCNKA	chr1:16348485-16360545	inf	1
XLOC_000155	XLOC_000155	CDA	chr1:20915443-20945400	inf	1
XLOC_000159	XLOC_000159	ALPL	chr1:21835857-21904905	inf	1
XLOC_000186	XLOC_000186	NCMAP	chr1:24882566-24935818	inf	1
XLOC_000246	XLOC_000246	TINAGL1	chr1:32042085-32053287	inf	1
XLOC_000247	XLOC_000247	HCRTR1	chr1:32083300-32092919	inf	1
XLOC_000396	XLOC_000396	FAM159A	chr1:53099065-53122737	inf	1
XLOC_000417	XLOC_000417	PRKAA2	chr1:57110989-57181008	inf	1
XLOC_000419	XLOC_000419	LOC100131060	chr1:59250822-59365384	inf	1
XLOC_000447	XLOC_000447	IL23R	chr1:67632168-67725650	inf	1
XLOC_000467	XLOC_000467	ST6GALNAC3	chr1:76540388-77096669	inf	1
XLOC_000473	XLOC_000473	GIPC2	chr1:78511588-78603112	inf	1
XLOC_000481	XLOC_000481	DNASE2B	chr1:84864214-84880691	inf	1
XLOC_000522	XLOC_000522	FLJ31662	chr1:95940292-95944912	inf	1
XLOC_000594	XLOC_000594	LOC643355	chr1:112533189-112541463	inf	1
XLOC_000742	XLOC_000742	TDRD10	chr1:154474694-154520623	inf	1
XLOC_000761	XLOC_000761	POU5F1P4	chr1:155305051-155533735	inf	1
XLOC_000767	XLOC_000767	RXFP4	chr1:155911479-155912625	inf	1
XLOC_000769	XLOC_000769	RAB25	chr1:156030965-156040295	inf	1
XLOC_000776	XLOC_000776	RHBG	chr1:156338979-156355013	inf	1
XLOC_000808	XLOC_000808	KCNJ9	chr1:160051359-160059212	inf	1

XLOC_000816	XLOC_000816	VANGL2	chr1:160370363-160398468	inf	1
XLOC_000829	XLOC_000829	FCGR2A	chr1:161475204-161489360	inf	1
XLOC_000988	XLOC_000988	SNORA77	chr1:203595914-203713209	inf	1
XLOC_000989	XLOC_000989	LINC00260	chr1:203595914-203713209	inf	1
XLOC_001013	XLOC_001013	IL24	chr1:207070787-207095378	inf	1
XLOC_001019	XLOC_001019	CR1	chr1:207669472-207815110	inf	1
XLOC_001024	XLOC_001024	CAMK1G	chr1:209757044-209787284	inf	1
XLOC_001026	XLOC_001026	HSD11B1	chr1:209859524-209908295	inf	1
XLOC_001055	XLOC_001055	TGFB2	chr1:218517537-218617961	inf	1
XLOC_001115	XLOC_001115	LINC00184	chr1:234765056-234770526	inf	1
XLOC_001207	XLOC_001207	C1orf233	chr1:1533387-1535476	inf	1
XLOC_001224	XLOC_001224	TTC34	chr1:2572806-2706230	inf	1
XLOC_001251	XLOC_001251	SLC2A7	chr1:9063358-9086404	inf	1
XLOC_001300	XLOC_001300	SPATA21	chr1:16725137-16763919	inf	1
XLOC_001329	XLOC_001329	LOC339505	chr1:20686293-20755287	inf	1
XLOC_001345	XLOC_001345	HTR1D	chr1:23518387-23521222	inf	1
XLOC_001363	XLOC_001363	RUNX3	chr1:25226001-25291501	inf	1
XLOC_001404	XLOC_001404	LAPTM5	chr1:31205314-31230683	inf	1
XLOC_001415	XLOC_001415	COL16A1	chr1:32117847-32169768	inf	1
XLOC_001436	XLOC_001436	DLGAP3	chr1:35331036-35370984	inf	1
XLOC_001467	XLOC_001467	POU3F1	chr1:38509522-38512450	inf	1
XLOC_001530	XLOC_001530	CYP4A11	chr1:47394845-47407156	inf	1
XLOC_001594	XLOC_001594	C1orf141	chr1:67557858-67600654	inf	1
XLOC_001724	XLOC_001724	PTPN22	chr1:114356432-114447741	inf	1
XLOC_001731	XLOC_001731	AMPD1	chr1:115215719-115238239	inf	1
XLOC_001750	XLOC_001750	REG4	chr1:120336640-120354203	inf	1
XLOC_001754	XLOC_001754	FCGR1B	chr1:120926127-120935944	inf	1
XLOC_001776	XLOC_001776	LINC00624	chr1:146853913-146989699	inf	1
XLOC_001899	XLOC_001899	SCARNA4	chr1:155882835-155904188	inf	1
XLOC_001974	XLOC_001974	ADAMTS4	chr1:161159537-161168845	inf	1
XLOC_001979	XLOC_001979	FCGR3A	chr1:161511550-161520413	inf	1
XLOC_001983	XLOC_001983	C1orf111	chr1:162343514-162346644	inf	1
XLOC_001990	XLOC_001990	LOC400794	chr1:165446078-165551341	inf	1
XLOC_002010	XLOC_002010	F5	chr1:169481191-169555769	inf	1
XLOC_002012	XLOC_002012	SELL	chr1:169659805-169680843	inf	1
XLOC_002013	XLOC_002013	SELE	chr1:169691780-169703220	inf	1
XLOC_002038	XLOC_002038	SNORD76	chr1:173832385-173837125	inf	1
XLOC_002048	XLOC_002048	ASTN1	chr1:176830202-177134024	inf	1
XLOC_002053	XLOC_002053	ANGPTL1	chr1:178694299-178889237	inf	1
XLOC_002068	XLOC_002068	NMNAT2	chr1:183217371-183387634	inf	1
XLOC_002072	XLOC_002072	APOBEC4	chr1:183605207-183897666	inf	1
XLOC_002075	XLOC_002075	FAM129A	chr1:184760165-184943682	inf	1
XLOC_002094	XLOC_002094	LOC100131234	chr1:198777131-198906558	inf	1
XLOC_002122	XLOC_002122	MYOG	chr1:203052256-203055166	inf	1
XLOC_002167	XLOC_002167	IRF6	chr1:209958967-209979520	inf	1
XLOC_002324	XLOC_002324	AKR1C3	chr10:5090957-5149878	inf	1
XLOC_002336	XLOC_002336	LINC00707	chr10:6821559-6884868	inf	1
XLOC_002340	XLOC_002340	GATA3	chr10:8096666-8117164	inf	1
XLOC_002421	XLOC_002421	ZNF32-AS3	chr10:44124264-44170147	inf	1
XLOC_002435	XLOC_002435	GLUD1P7	chr10:46764667-46768346	inf	1
XLOC_002437	XLOC_002437	GPRIN2	chr10:46993545-47000568	inf	1
XLOC_002534	XLOC_002534	LINC00595	chr10:80027084-80039970	inf	1
XLOC_002601	XLOC_002601	FFAR4	chr10:95326421-95349829	inf	1
XLOC_002610	XLOC_002610	CYP2C9	chr10:96698414-96749148	inf	1
XLOC_002652	XLOC_002652	TLX1	chr10:102891060-102897546	inf	1
XLOC_002661	XLOC_002661	ELOVL3	chr10:103986142-103989344	inf	1
XLOC_002702	XLOC_002702	PLEKHS1	chr10:115511212-115542192	inf	1
XLOC_002735	XLOC_002735	ARMS2	chr10:124214178-124216868	inf	1
XLOC_002753	XLOC_002753	MIR4484	chr10:127477146-127511837	inf	1
XLOC_002774	XLOC_002774	VENTX	chr10:135051407-135055433	inf	1
XLOC_002782	XLOC_002782	TUBB8	chr10:92827-95178	inf	1
XLOC_002889	XLOC_002889	LOC441666	chr10:42827313-42863493	inf	1
XLOC_002909	XLOC_002909	LINC00842	chr10:47096453-47151400	inf	1
XLOC_002911	XLOC_002911	ANXA8	chr10:47157983-47174143	inf	1
XLOC_002915	XLOC_002915	RBP3	chr10:48381486-48390991	inf	1
XLOC_003079	XLOC_003079	CRTAC1	chr10:99609994-99790585	inf	1
XLOC_003123	XLOC_003123	CALHM3	chr10:105232560-105238997	inf	1
XLOC_003184	XLOC_003184	MMP21	chr10:127455026-127464390	inf	1
XLOC_003243	XLOC_003243	LOC338651	chr11:1490684-1785501	inf	1
XLOC_003263	XLOC_003263	ART1	chr11:3666360-3685646	inf	1
XLOC_003284	XLOC_003284	OR5112	chr11:5362112-5526882	inf	1
XLOC_003285	XLOC_003285	OR52D1	chr11:5362112-5526882	inf	1
XLOC_003305	XLOC_003305	OR10A2	chr11:6890985-6891897	inf	1
XLOC_003306	XLOC_003306	OR10A4	chr11:6897855-6898850	inf	1
XLOC_003331	XLOC_003331	MRV11-AS1	chr11:10562782-10715535	inf	1
XLOC_003347	XLOC_003347	OR7E14P	chr11:17073432-17074591	inf	1
XLOC_003359	XLOC_003359	LDHAL6A	chr11:18477373-18501147	inf	1
XLOC_003379	XLOC_003379	FSHB	chr11:30252562-30256824	inf	1
XLOC_003422	XLOC_003422	LOC221122	chr11:44995452-44999578	inf	1

XLOC_003446	XLOC_003446	FAM180B	chr11:47608229-47610746	inf	1
XLOC_003521	XLOC_003521	MS4A7	chr11:60145957-60163426	inf	1
XLOC_003570	XLOC_003570	SLC22A10	chr11:63014620-63330855	inf	1
XLOC_003660	XLOC_003660	TBC1D10C	chr11:67171383-67177561	inf	1
XLOC_003683	XLOC_003683	SHANK2-AS1	chr11:70313960-70935808	inf	1
XLOC_003684	XLOC_003684	SHANK2-AS3	chr11:70313960-70935808	inf	1
XLOC_003759	XLOC_003759	FAT3	chr11:92085261-92629635	inf	1
XLOC_003768	XLOC_003768	FOLR4	chr11:94038802-94040858	inf	1
XLOC_003806	XLOC_003806	C11orf53	chr11:111126706-111156972	inf	1
XLOC_003852	XLOC_003852	CXCR5	chr11:118754474-118781613	inf	1
XLOC_003864	XLOC_003864	PDZD3	chr11:119056165-119060932	inf	1
XLOC_003872	XLOC_003872	GRIK4	chr11:120531027-120856969	inf	1
XLOC_003891	XLOC_003891	PANX3	chr11:124481452-124490251	inf	1
XLOC_003915	XLOC_003915	FLI1	chr11:128556429-128683162	inf	1
XLOC_003922	XLOC_003922	ADAMTS15	chr11:130318868-130346539	inf	1
XLOC_004007	XLOC_004007	HBB	chr11:5246695-5248301	inf	1
XLOC_004060	XLOC_004060	ASCL3	chr11:8959118-8964580	inf	1
XLOC_004090	XLOC_004090	PLEKHA7	chr11:16809206-17035963	inf	1
XLOC_004119	XLOC_004119	MUC15	chr11:26353677-26684836	inf	1
XLOC_004129	XLOC_004129	DCDC1	chr11:31284170-31391357	inf	1
XLOC_004140	XLOC_004140	ELF5	chr11:34500341-34535347	inf	1
XLOC_004170	XLOC_004170	MYBPC3	chr11:47352956-47374253	inf	1
XLOC_004251	XLOC_004251	DKFZP434K028	chr11:61520120-61555989	inf	1
XLOC_004278	XLOC_004278	SNORD31	chr11:62619459-62623360	inf	1
XLOC_004337	XLOC_004337	GAL3ST3	chr11:65808235-65816651	inf	1
XLOC_004363	XLOC_004363	TBX10	chr11:67398773-67407031	inf	1
XLOC_004374	XLOC_004374	MRGPRD	chr11:68747489-68748455	inf	1
XLOC_004391	XLOC_004391	PHOX2A	chr11:71935881-71955220	inf	1
XLOC_004404	XLOC_004404	P4HA3	chr11:73977701-74022699	inf	1
XLOC_004433	XLOC_004433	TENM4	chr11:78364327-79151695	inf	1
XLOC_004464	XLOC_004464	SNORD6	chr11:93464668-93464739	inf	1
XLOC_004483	XLOC_004483	TRPC6	chr11:101322294-101454659	inf	1
XLOC_004487	XLOC_004487	MMP7	chr11:102391238-102401478	inf	1
XLOC_004493	XLOC_004493	MMP3	chr11:102654406-102714342	inf	1
XLOC_004508	XLOC_004508	GUCY1A2	chr11:106544737-106889171	inf	1
XLOC_004561	XLOC_004561	LOC100131626	chr11:118230295-118289530	inf	1
XLOC_004589	XLOC_004589	SCN3B	chr11:123499894-123525315	inf	1
XLOC_004711	XLOC_004711	RIMKLB	chr12:8850517-8929787	inf	1
XLOC_004817	XLOC_004817	H1FNT	chr12:48722762-48724062	inf	1
XLOC_004948	XLOC_004948	ARHGEF25	chr12:58003962-58011028	inf	1
XLOC_005002	XLOC_005002	SYT1	chr12:79257772-79845788	inf	1
XLOC_005005	XLOC_005005	OTOGL	chr12:80603232-80772870	inf	1
XLOC_005022	XLOC_005022	PLEKHG7	chr12:93130264-93165868	inf	1
XLOC_005111	XLOC_005111	RPH3A	chr12:113229548-113336684	inf	1
XLOC_005115	XLOC_005115	DTX1	chr12:113495661-113535833	inf	1
XLOC_005169	XLOC_005169	MIR3908	chr12:124020955-124021081	inf	1
XLOC_005183	XLOC_005183	FLJ37505	chr12:128366161-128383184	inf	1
XLOC_005191	XLOC_005191	GPR133	chr12:131438451-131626008	inf	1
XLOC_005221	XLOC_005221	LOC100271702	chr12:2038367-2045742	inf	1
XLOC_005234	XLOC_005234	ANO2	chr12:5671816-6055398	inf	1
XLOC_005272	XLOC_005272	AICDA	chr12:8754761-8765442	inf	1
XLOC_005303	XLOC_005303	TAS2R13	chr12:10998447-11328619	inf	1
XLOC_005305	XLOC_005305	TAS2R50	chr12:10998447-11328619	inf	1
XLOC_005313	XLOC_005313	PRB3	chr12:11418856-11422641	inf	1
XLOC_005343	XLOC_005343	SLCO1A2	chr12:21417533-21548371	inf	1
XLOC_005447	XLOC_005447	FAM186A	chr12:50721094-50790405	inf	1
XLOC_005472	XLOC_005472	KRT73	chr12:53001353-53012343	inf	1
XLOC_005474	XLOC_005474	KRT1	chr12:53068519-53074191	inf	1
XLOC_005677	XLOC_005677	CMKLR1	chr12:108681820-108733094	inf	1
XLOC_005726	XLOC_005726	NOS1	chr12:117645946-117799607	inf	1
XLOC_005763	XLOC_005763	HCAR3	chr12:123199302-123201439	inf	1
XLOC_005883	XLOC_005883	SPERT	chr13:46276445-46288693	inf	1
XLOC_005892	XLOC_005892	MLNR	chr13:49794473-49796513	inf	1
XLOC_005903	XLOC_005903	FAM124A	chr13:51796469-51858377	inf	1
XLOC_005974	XLOC_005974	NALCN-AS1	chr13:101360578-102068813	inf	1
XLOC_006043	XLOC_006043	GPR12	chr13:27329338-27334922	inf	1
XLOC_006080	XLOC_006080	LINC00571	chr13:38624953-38717369	inf	1
XLOC_006103	XLOC_006103	KCTD4	chr13:45694630-45858239	inf	1
XLOC_006110	XLOC_006110	CPB2	chr13:46626982-46679211	inf	1
XLOC_006112	XLOC_006112	LINC00563	chr13:46870579-46871979	inf	1
XLOC_006144	XLOC_006144	LECT1	chr13:53277399-53313947	inf	1
XLOC_006165	XLOC_006165	POU4F1	chr13:78628989-79233314	inf	1
XLOC_006177	XLOC_006177	LINC00410	chr13:91543207-91578851	inf	1
XLOC_006263	XLOC_006263	RNASE2	chr14:21423629-21424594	inf	1
XLOC_006305	XLOC_006305	NYNRIN	chr14:24867991-24888494	inf	1
XLOC_006330	XLOC_006330	SSTR1	chr14:38677203-38682268	inf	1
XLOC_006418	XLOC_006418	PLEKHD1	chr14:69951470-69995215	inf	1
XLOC_006493	XLOC_006493	SLC24A4	chr14:92788924-92967825	inf	1
XLOC_006642	XLOC_006642	SNORA28	chr14:103800338-103811361	inf	1

XLOC_006649	XLOC_006649	TDRD9	chr14:104394816-104519004	inf	1
XLOC_006722	XLOC_006722	MYH6	chr14:23851198-23877486	inf	1
XLOC_006752	XLOC_006752	PRKD1	chr14:29896116-30396899	inf	1
XLOC_006761	XLOC_006761	EGLN3	chr14:34393420-34420284	inf	1
XLOC_006828	XLOC_006828	OTX2	chr14:57267424-57277194	inf	1
XLOC_006831	XLOC_006831	SLC35F4	chr14:58030639-58332592	inf	1
XLOC_006920	XLOC_006920	SNORA79	chr14:81641795-81687575	inf	0.999791
XLOC_007018	XLOC_007018	NPAP1	chr15:24920540-24928593	inf	1
XLOC_007019	XLOC_007019	SNRPN,SNURF	chr15:25068793-25223729	inf	1
XLOC_007020	XLOC_007020	PAR-SN	chr15:25227140-25228937	inf	1
XLOC_007207	XLOC_007207	FGF7	chr15:49447975-49913118	inf	1
XLOC_007217	XLOC_007217	SCG3	chr15:51973549-52013223	inf	1
XLOC_007234	XLOC_007234	LDHAL6B	chr15:59428167-59665071	inf	1
XLOC_007304	XLOC_007304	CYP1A2	chr15:75041183-75048941	inf	1
XLOC_007335	XLOC_007335	LOC646938	chr15:79044378-79045734	inf	1
XLOC_007366	XLOC_007366	SH3GL3	chr15:84116090-84287493	inf	1
XLOC_007412	XLOC_007412	SV2B	chr15:91643181-91844539	inf	1
XLOC_007480	XLOC_007480	ULK4P1,ULK4P3	chr15:32698800-32727250	inf	1
XLOC_007517	XLOC_007517	PPP1R14D	chr15:41107642-41120907	inf	1
XLOC_007528	XLOC_007528	PLA2G4E	chr15:42273779-42342901	inf	1
XLOC_007583	XLOC_007583	BCL2L10	chr15:52401821-52404972	inf	1
XLOC_007636	XLOC_007636	CILP	chr15:65488336-65503840	inf	1
XLOC_007683	XLOC_007683	STRA6	chr15:74471807-74502046	inf	1
XLOC_007711	XLOC_007711	LINC00597	chr15:77400497-77712446	inf	1
XLOC_007732	XLOC_007732	TMC3	chr15:81624759-81666418	inf	1
XLOC_007842	XLOC_007842	PRR25	chr16:855442-863861	inf	1
XLOC_007968	XLOC_007968	SYT17	chr16:19179637-19278554	inf	1
XLOC_007974	XLOC_007974	ACSM5	chr16:20420855-20452281	inf	1
XLOC_007987	XLOC_007987	VWA3A	chr16:22103862-22168287	inf	1
XLOC_008012	XLOC_008012	FLJ21408	chr16:27236314-27301789	inf	1
XLOC_008023	XLOC_008023	CD19	chr16:28943259-28950668	inf	1
XLOC_008057	XLOC_008057	SNORA30	chr16:30710461-30751450	inf	1
XLOC_008100	XLOC_008100	NOD2	chr16:50731049-50766987	inf	1
XLOC_008123	XLOC_008123	MT1A	chr16:56672577-56673999	inf	1
XLOC_008146	XLOC_008146	GPR97	chr16:57702156-57723290	inf	1
XLOC_008210	XLOC_008210	CLEC18C	chr16:70207927-70220798	inf	1
XLOC_008253	XLOC_008253	CDH13	chr16:82660398-83830215	inf	1
XLOC_008275	XLOC_008275	FOXC2	chr16:86600856-86602537	inf	1
XLOC_008284	XLOC_008284	IL17C	chr16:88705000-88706882	inf	1
XLOC_008318	XLOC_008318	LINC00235	chr16:576846-577407	inf	1
XLOC_008337	XLOC_008337	PTX4	chr16:1535939-1538468	inf	1
XLOC_008477	XLOC_008477	ERN2	chr16:23690200-23724821	inf	1
XLOC_008511	XLOC_008511	LOC388242	chr16:30204255-30218248	inf	1
XLOC_008542	XLOC_008542	CSDAP1	chr16:31579087-31580845	inf	1
XLOC_008593	XLOC_008593	CNGB1	chr16:57916243-58005020	inf	1
XLOC_008605	XLOC_008605	CDH11	chr16:64980682-65155919	inf	1
XLOC_008636	XLOC_008636	DPEP2	chr16:68021292-68033421	inf	1
XLOC_008748	XLOC_008748	TUSC5	chr17:1182956-1204281	inf	1
XLOC_008840	XLOC_008840	GUCY2D	chr17:7905987-7923658	inf	1
XLOC_008841	XLOC_008841	ALOX15B	chr17:7942357-7952451	inf	1
XLOC_008880	XLOC_008880	SNORD65	chr17:16342300-16395505	inf	1
XLOC_008899	XLOC_008899	KRT16P1	chr17:18343221-18346208	inf	1
XLOC_008906	XLOC_008906	GRAPL	chr17:19030781-19062148	inf	1
XLOC_008944	XLOC_008944	SNORD4B	chr17:27046999-27053949	inf	1
XLOC_008951	XLOC_008951	MIR4523	chr17:27717679-27717748	inf	1
XLOC_009008	XLOC_009008	LHX1	chr17:35294771-35301915	inf	1
XLOC_009049	XLOC_009049	IGFBP4	chr17:38599675-38613982	inf	1
XLOC_009097	XLOC_009097	CD300LG	chr17:41924515-41940997	inf	1
XLOC_009150	XLOC_009150	IGF2BP1	chr17:47074773-47133507	inf	1
XLOC_009152	XLOC_009152	ABI3	chr17:47283595-47300587	inf	1
XLOC_009167	XLOC_009167	MYCBPAP	chr17:48585744-48608862	inf	1
XLOC_009194	XLOC_009194	EPX	chr17:56270088-56282535	inf	1
XLOC_009210	XLOC_009210	C17orf64	chr17:58499864-58508787	inf	1
XLOC_009232	XLOC_009232	SNORD104	chr17:62223437-62223517	inf	1
XLOC_009256	XLOC_009256	SOX9	chr17:70117160-70122560	inf	1
XLOC_009272	XLOC_009272	OTOP2	chr17:72920369-72930006	inf	1
XLOC_009409	XLOC_009409	P2RX1	chr17:3799884-3819960	inf	1
XLOC_009415	XLOC_009415	GGT6	chr17:4460221-4463876	inf	1
XLOC_009511	XLOC_009511	CDRT15	chr17:14139172-14140150	inf	1
XLOC_009540	XLOC_009540	FAM106A	chr17:18427879-18430160	inf	1
XLOC_009546	XLOC_009546	EPN2-AS1	chr17:19140689-19240028	inf	1
XLOC_009555	XLOC_009555	KRT16P3	chr17:20404826-20407811	inf	1
XLOC_009564	XLOC_009564	KRT18P55	chr17:26603011-26634408	inf	1
XLOC_009601	XLOC_009601	OMG	chr17:29421944-29704695	inf	1
XLOC_009623	XLOC_009623	GAS2L2	chr17:34071529-34079897	inf	1
XLOC_009625	XLOC_009625	C17orf66	chr17:34181959-34195895	inf	1
XLOC_009637	XLOC_009637	TBC1D3H	chr17:34745935-34757050	inf	1
XLOC_009643	XLOC_009643	HNF1B	chr17:36046433-36105096	inf	1
XLOC_009644	XLOC_009644	LOC284100	chr17:36202572-36244363	inf	1

XLOC_009664	XLOC_009664	NEUROD2	chr17:37760020-37764175	inf	1
XLOC_009684	XLOC_009684	KRT12	chr17:39017429-39023462	inf	1
XLOC_009695	XLOC_009695	KRTAP1-1	chr17:39196810-39197173	inf	1
XLOC_009729	XLOC_009729	KRT42P	chr17:39782578-39796451	inf	1
XLOC_009837	XLOC_009837	TAC4	chr17:47915670-47926199	inf	1
XLOC_009838	XLOC_009838	DLX3	chr17:48067368-48072588	inf	1
XLOC_009917	XLOC_009917	MIR3064	chr17:62494373-62502484	inf	1
XLOC_009947	XLOC_009947	SDK2	chr17:71330522-71640227	inf	1
XLOC_009950	XLOC_009950	BTBD17	chr17:72352554-72357958	inf	1
XLOC_009985	XLOC_009985	FOXJ1	chr17:74132414-74236390	inf	1
XLOC_010020	XLOC_010020	NPTX1	chr17:78440632-78450404	inf	1
XLOC_010031	XLOC_010031	LOC100130370	chr17:79349698-79359160	inf	1
XLOC_010140	XLOC_010140	GREB1L	chr18:18822202-19102791	inf	1
XLOC_010188	XLOC_010188	SIGLEC15	chr18:43405544-43422521	inf	1
XLOC_010212	XLOC_010212	ST8SIA3	chr18:55019720-55036161	inf	1
XLOC_010228	XLOC_010228	SERPINB5	chr18:61144143-61172318	inf	1
XLOC_010276	XLOC_010276	DLGAP1	chr18:3496029-4455266	inf	1
XLOC_010323	XLOC_010323	SLC25A52	chr18:29339658-29340843	inf	1
XLOC_010363	XLOC_010363	SNORD58A	chr18:47007547-47018935	inf	1
XLOC_010441	XLOC_010441	GRIN3B	chr19:1000436-1021141	inf	1
XLOC_010493	XLOC_010493	CREB3L3	chr19:4153597-4173051	inf	1
XLOC_010498	XLOC_010498	FSD1	chr19:4304590-4323843	inf	1
XLOC_010543	XLOC_010543	CLEC4GP1	chr19:7852369-7855898	inf	1
XLOC_010644	XLOC_010644	CASP14	chr19:15160290-15169103	inf	1
XLOC_010669	XLOC_010669	F2RL3	chr19:16999825-17002830	inf	1
XLOC_010712	XLOC_010712	NCAN	chr19:19322781-19363061	inf	1
XLOC_010784	XLOC_010784	CD22	chr19:35820071-35838264	inf	1
XLOC_010813	XLOC_010813	LOC644189	chr19:36912075-36913799	inf	1
XLOC_010824	XLOC_010824	ZNF570	chr19:37959981-37976242	inf	1
XLOC_010827	XLOC_010827	LOC644554	chr19:38308050-38345836	inf	1
XLOC_010871	XLOC_010871	CYP2G1P	chr19:41396730-41406413	inf	1
XLOC_010921	XLOC_010921	IGSF23	chr19:45116939-45140081	inf	1
XLOC_011009	XLOC_011009	CGB2	chr19:49535129-49536495	inf	1
XLOC_011055	XLOC_011055	SNAR-F	chr19:51108219-51108342	inf	0.999791
XLOC_011058	XLOC_011058	GPR32	chr19:51273720-51274989	inf	1
XLOC_011061	XLOC_011061	KLK3	chr19:51358170-51364020	inf	1
XLOC_011093	XLOC_011093	ZNF818P	chr19:53716200-53719355	inf	1
XLOC_011163	XLOC_011163	TTYH1	chr19:54926604-54947899	inf	1
XLOC_011167	XLOC_011167	LILRA2	chr19:55085256-55099027	inf	1
XLOC_011185	XLOC_011185	TMEM190	chr19:55888203-55889612	inf	1
XLOC_011203	XLOC_011203	ZNF542	chr19:56879467-56891196	inf	1
XLOC_011208	XLOC_011208	ZFP28	chr19:57050316-57068170	inf	1
XLOC_011220	XLOC_011220	ZNF304	chr19:57862644-57871265	inf	1
XLOC_011358	XLOC_011358	TUBB4A	chr19:6494329-6502330	inf	1
XLOC_011359	XLOC_011359	CD70	chr19:6585849-6591163	inf	1
XLOC_011484	XLOC_011484	PTGER1	chr19:14583277-14586174	inf	1
XLOC_011609	XLOC_011609	PRODH2	chr19:36290891-36304201	inf	1
XLOC_011645	XLOC_011645	RASGRP4	chr19:38893774-38916945	inf	1
XLOC_011687	XLOC_011687	CYP2A6	chr19:41349442-41356352	inf	1
XLOC_011709	XLOC_011709	CXCL17	chr19:42901299-43156507	inf	1
XLOC_011772	XLOC_011772	PGLYRP1	chr19:46522411-46526556	inf	1
XLOC_011780	XLOC_011780	PTGIR	chr19:47123724-47128354	inf	1
XLOC_011781	XLOC_011781	GNG8	chr19:47137332-47137939	inf	1
XLOC_011801	XLOC_011801	CABP5	chr19:48532639-48547311	inf	1
XLOC_011821	XLOC_011821	TULP2	chr19:49384221-49401996	inf	1
XLOC_011880	XLOC_011880	KLKP1	chr19:51385351-51399654	inf	1
XLOC_011884	XLOC_011884	KLK7	chr19:51479734-51487320	inf	1
XLOC_011905	XLOC_011905	SIGLEC14	chr19:52145805-52150132	inf	1
XLOC_011929	XLOC_011929	ZNF677	chr19:53738637-53758111	inf	1
XLOC_011947	XLOC_011947	LILRA5	chr19:54818352-54824409	inf	1
XLOC_011965	XLOC_011965	TMEM150B	chr19:55824226-55836708	inf	1
XLOC_011982	XLOC_011982	ZSCAN5B	chr19:56701057-56704421	inf	1
XLOC_012026	XLOC_012026	SNTG2	chr2:946553-1371384	inf	1
XLOC_012062	XLOC_012062	VSNL1	chr2:17721806-17837706	inf	1
XLOC_012089	XLOC_012089	DPYSL5	chr2:27070968-27173219	inf	1
XLOC_012100	XLOC_012100	TRIM54	chr2:27505296-27531130	inf	1
XLOC_012123	XLOC_012123	LBH	chr2:30454396-30482899	inf	1
XLOC_012142	XLOC_012142	QPCT	chr2:37571752-37600465	inf	1
XLOC_012166	XLOC_012166	TMEM247	chr2:46706703-46711564	inf	1
XLOC_012219	XLOC_012219	ARHGAP25	chr2:68961912-69053957	inf	1
XLOC_012244	XLOC_012244	C2orf78	chr2:74011315-74044274	inf	1
XLOC_012282	XLOC_012282	LOC284950	chr2:86042252-86053911	inf	1
XLOC_012341	XLOC_012341	IL1RL1	chr2:102927961-102968497	inf	1
XLOC_012343	XLOC_012343	IL18RAP	chr2:103035253-103069024	inf	1
XLOC_012354	XLOC_012354	C2orf40	chr2:106682112-106694609	inf	1
XLOC_012413	XLOC_012413	RNU4ATAC	chr2:122095351-122407052	inf	1
XLOC_012418	XLOC_012418	PROC	chr2:128175995-128186822	inf	1
XLOC_012424	XLOC_012424	CCDC74B-AS1	chr2:130887195-130902707	inf	1
XLOC_012432	XLOC_012432	AMER3	chr2:131513076-131525707	inf	1

XLOC_012486	XLOC_012486	SLC4A10	chr2:162480844-162841786	inf	1
XLOC_012490	XLOC_012490	LOC100506134	chr2:166729871-166810348	inf	1
XLOC_012492	XLOC_012492	B3GALT1	chr2:168675181-168727366	inf	1
XLOC_012575	XLOC_012575	SATB2-AS1	chr2:200134222-200337481	inf	1
XLOC_012661	XLOC_012661	TUBA4B	chr2:220110191-220136910	inf	1
XLOC_012692	XLOC_012692	LOC151484	chr2:231751260-231769232	inf	1
XLOC_012747	XLOC_012747	AQP12A	chr2:241631261-241637900	inf	1
XLOC_012748	XLOC_012748	AGXT	chr2:241808161-241818536	inf	1
XLOC_012784	XLOC_012784	CYS1	chr2:10196925-10220538	inf	1
XLOC_012831	XLOC_012831	OTOF	chr2:26680070-26781566	inf	1
XLOC_012858	XLOC_012858	XDH	chr2:31557187-31637611	inf	1
XLOC_012881	XLOC_012881	CDKL4	chr2:39405687-39456673	inf	1
XLOC_012927	XLOC_012927	FLJ16341	chr2:61074894-61108449	inf	1
XLOC_013030	XLOC_013030	RGPD1, RGPD2	chr2:88047605-88285309	inf	1
XLOC_013033	XLOC_013033	FABP1	chr2:88422507-88427650	inf	1
XLOC_013038	XLOC_013038	LOC442028	chr2:95534429-95613087	inf	1
XLOC_013043	XLOC_013043	ADRA2B	chr2:96778622-96781888	inf	1
XLOC_013148	XLOC_013148	TUBA3E	chr2:130949317-130956034	inf	1
XLOC_013161	XLOC_013161	LYPD1	chr2:133174146-133429070	inf	1
XLOC_013261	XLOC_013261	ZNF385B	chr2:180306710-180726232	inf	1
XLOC_013289	XLOC_013289	HECW2	chr2:197063976-197457335	inf	1
XLOC_013355	XLOC_013355	DIRC3	chr2:218148745-218621316	inf	1
XLOC_013386	XLOC_013386	EPHA4	chr2:222282746-222437010	inf	1
XLOC_013393	XLOC_013393	FAM124B	chr2:225243414-225266711	inf	1
XLOC_013410	XLOC_013410	GPR55	chr2:231772042-231789941	inf	1
XLOC_013418	XLOC_013418	NMUR1	chr2:232387870-232395182	inf	1
XLOC_013460	XLOC_013460	C2orf54	chr2:241825464-241835573	inf	1
XLOC_013502	XLOC_013502	OXT	chr20:3052265-3053162	inf	1
XLOC_013528	XLOC_013528	SNAP25	chr20:10004459-10288066	inf	1
XLOC_013536	XLOC_013536	OTOR	chr20:16729002-16732809	inf	1
XLOC_013568	XLOC_013568	CST7	chr20:24929865-24940564	inf	1
XLOC_013590	XLOC_013590	HCK	chr20:30639990-30689657	inf	1
XLOC_013641	XLOC_013641	LOC100287792	chr20:36305311-36311636	inf	1
XLOC_013653	XLOC_013653	SLC32A1	chr20:37353104-37358015	inf	1
XLOC_013670	XLOC_013670	HNF4A	chr20:42984440-43061485	inf	1
XLOC_013682	XLOC_013682	RBPJL	chr20:43922086-43946464	inf	1
XLOC_013685	XLOC_013685	WFDC2	chr20:44098393-44110172	inf	1
XLOC_013697	XLOC_013697	SLC12A5	chr20:44650328-44688789	inf	1
XLOC_013704	XLOC_013704	LINC00494	chr20:46988653-46999381	inf	1
XLOC_013847	XLOC_013847	LINC00658	chr20:5412602-5426394	inf	1
XLOC_013885	XLOC_013885	CD93	chr20:23059992-23066977	inf	1
XLOC_013958	XLOC_013958	GHRH	chr20:35879489-35885299	inf	1
XLOC_013970	XLOC_013970	MAFB	chr20:39314516-39317876	inf	1
XLOC_013975	XLOC_013975	GTSF1L	chr20:42354800-42355642	inf	1
XLOC_013985	XLOC_013985	KCNS1	chr20:43720949-43729753	inf	1
XLOC_014077	XLOC_014077	KCNQ2	chr20:62037541-62103993	inf	1
XLOC_014109	XLOC_014109	CHODL	chr21:19289656-19639687	inf	1
XLOC_014126	XLOC_014126	GRIK1-AS1	chr21:30909253-31312282	inf	1
XLOC_014176	XLOC_014176	B3GALT5	chr21:41029253-41034815	inf	1
XLOC_014177	XLOC_014177	IGSF5	chr21:41117333-41174023	inf	1
XLOC_014187	XLOC_014187	ZNF295-AS1	chr21:43442112-43445060	inf	1
XLOC_014189	XLOC_014189	ABCG1	chr21:43619798-43717354	inf	1
XLOC_014224	XLOC_014224	COL6A2	chr21:47518032-47552763	inf	1
XLOC_014256	XLOC_014256	ADAMTS5	chr21:28290230-28339439	inf	1
XLOC_014351	XLOC_014351	CBS	chr21:44473300-44496472	inf	1
XLOC_014359	XLOC_014359	DNMT3L	chr21:45666221-45682099	inf	1
XLOC_014363	XLOC_014363	KRTAP10-1	chr21:45917774-46131495	inf	1
XLOC_014364	XLOC_014364	KRTAP10-2	chr21:45917774-46131495	inf	1
XLOC_014384	XLOC_014384	FTCD	chr21:47556175-47575481	inf	1
XLOC_014468	XLOC_014468	UPB1	chr22:24891250-24922553	inf	1
XLOC_014484	XLOC_014484	CRYBA4	chr22:27017927-27026636	inf	1
XLOC_014519	XLOC_014519	SLC5A1	chr22:32439018-32509011	inf	1
XLOC_014537	XLOC_014537	CSF2RB	chr22:37309674-37336479	inf	1
XLOC_014570	XLOC_014570	MGAT3	chr22:39853324-39888199	inf	1
XLOC_014598	XLOC_014598	WBP2NL	chr22:42394728-42424477	inf	1
XLOC_014657	XLOC_014657	ANKRD62P1-PARP4P3	chr22:17134598-17156430	inf	1
XLOC_014696	XLOC_014696	TUBA3FP	chr22:21354060-21368576	inf	1
XLOC_014723	XLOC_014723	GSTTP1	chr22:24340594-24347258	inf	1
XLOC_014733	XLOC_014733	LOC100128531	chr22:25423940-25593415	inf	1
XLOC_014787	XLOC_014787	SYN3	chr22:32908539-33454377	inf	1
XLOC_014868	XLOC_014868	A4GALT	chr22:43088126-43116876	inf	1
XLOC_014900	XLOC_014900	MLC1	chr22:50497819-50524358	inf	1
XLOC_015011	XLOC_015011	MLH1	chr3:37034840-37092337	inf	1
XLOC_015033	XLOC_015033	MOBP	chr3:39509069-39567857	inf	1
XLOC_015050	XLOC_015050	ZNF662	chr3:42947401-42960825	inf	1
XLOC_015052	XLOC_015052	FAM198A	chr3:43020758-43099207	inf	1
XLOC_015076	XLOC_015076	CCR5	chr3:46411632-46417697	inf	1
XLOC_015102	XLOC_015102	CCDC36	chr3:49235860-49295537	inf	1
XLOC_015114	XLOC_015114	SLC38A3	chr3:50242691-50258406	inf	1

XLOC_015132	XLOC_015132	GPR62	chr3:51989329-52001482	inf	1
XLOC_015147	XLOC_015147	ITIH1	chr3:52811601-52826084	inf	1
XLOC_015222	XLOC_015222	TMEM30C	chr3:99904667-99913030	inf	1
XLOC_015240	XLOC_015240	CCDC54	chr3:107096187-107097481	inf	1
XLOC_015262	XLOC_015262	SIDT1	chr3:113251217-113348422	inf	1
XLOC_015281	XLOC_015281	NR1I2	chr3:119499330-119537332	inf	1
XLOC_015285	XLOC_015285	ARGFX	chr3:121286777-121309469	inf	1
XLOC_015286	XLOC_015286	FBXO40	chr3:121312169-121349139	inf	1
XLOC_015308	XLOC_015308	CCDC37	chr3:126113781-126155398	inf	1
XLOC_015332	XLOC_015332	TRH	chr3:129693113-129696779	inf	1
XLOC_015333	XLOC_015333	ALG1L2	chr3:129800673-129830276	inf	1
XLOC_015409	XLOC_015409	C3orf79	chr3:153202283-153220486	inf	1
XLOC_015426	XLOC_015426	C3orf80	chr3:159943422-159946000	inf	1
XLOC_015430	XLOC_015430	ARL14	chr3:160394947-160396235	inf	1
XLOC_015487	XLOC_015487	EPHB3	chr3:184279586-184300196	inf	1
XLOC_015496	XLOC_015496	FETUB	chr3:186358148-186370797	inf	1
XLOC_015527	XLOC_015527	LOC100507391	chr3:194429149-194502897	inf	1
XLOC_015568	XLOC_015568	FANCD2OS	chr3:10068112-10149915	inf	1
XLOC_015600	XLOC_015600	DAZL	chr3:16628300-16647006	inf	1
XLOC_015640	XLOC_015640	XIRP1	chr3:39224705-39234085	inf	1
XLOC_015665	XLOC_015665	XCR1	chr3:46062290-46068979	inf	1
XLOC_015670	XLOC_015670	PRSS50	chr3:46753605-46759373	inf	1
XLOC_015685	XLOC_015685	SPINK8	chr3:48348335-48369831	inf	1
XLOC_015744	XLOC_015744	IQCF1	chr3:51928891-51937386	inf	1
XLOC_015777	XLOC_015777	ERC2	chr3:55542335-56502391	inf	1
XLOC_015797	XLOC_015797	CADPS	chr3:62384020-62861064	inf	1
XLOC_015885	XLOC_015885	IGSF11	chr3:118619478-118864898	inf	1
XLOC_015933	XLOC_015933	DNAJB8	chr3:128181274-128191160	inf	1
XLOC_015934	XLOC_015934	GATA2	chr3:128198264-128212030	inf	1
XLOC_015943	XLOC_015943	SNORA7B	chr3:129101676-129118282	inf	0.999791
XLOC_015953	XLOC_015953	SNORA58	chr3:131181044-131221860	inf	1
XLOC_015992	XLOC_015992	PLSCR2	chr3:146151074-146213778	inf	1
XLOC_016010	XLOC_016010	GPR87	chr3:150804675-151176497	inf	1
XLOC_016047	XLOC_016047	SERPINI2	chr3:167159576-167191920	inf	1
XLOC_016083	XLOC_016083	KLHL6	chr3:183205318-183273499	inf	1
XLOC_016095	XLOC_016095	LIPH	chr3:185225699-185270369	inf	1
XLOC_016119	XLOC_016119	ATP13A5	chr3:192992830-193096514	inf	1
XLOC_016124	XLOC_016124	LOC100131551	chr3:194018988-194030593	inf	1
XLOC_016140	XLOC_016140	ZDHHC19	chr3:195924322-195938300	inf	1
XLOC_016209	XLOC_016209	SORCS2	chr4:7194373-7744564	inf	1
XLOC_016275	XLOC_016275	C4orf19	chr4:37455551-37687999	inf	1
XLOC_016290	XLOC_016290	RHOH	chr4:40198526-40246281	inf	1
XLOC_016337	XLOC_016337	STAP1	chr4:68424445-68472616	inf	1
XLOC_016362	XLOC_016362	ENAM	chr4:71494460-71512536	inf	1
XLOC_016368	XLOC_016368	NPFFR2	chr4:72897520-73013918	inf	1
XLOC_016369	XLOC_016369	ALB	chr4:74269971-74287129	inf	1
XLOC_016393	XLOC_016393	CXCL13	chr4:78432906-78532988	inf	1
XLOC_016396	XLOC_016396	ANXA3	chr4:79472741-79531605	inf	1
XLOC_016397	XLOC_016397	LOC100505702	chr4:79567147-79605655	inf	1
XLOC_016400	XLOC_016400	LOC100506035	chr4:80413746-80497614	inf	1
XLOC_016484	XLOC_016484	MYO22	chr4:120056938-120108944	inf	1
XLOC_016490	XLOC_016490	ADAD1	chr4:123300120-123350947	inf	1
XLOC_016527	XLOC_016527	POU4F2	chr4:147560044-147563623	inf	1
XLOC_016545	XLOC_016545	LRAT	chr4:155665162-155674270	inf	1
XLOC_016589	XLOC_016589	FAM92A1P2	chr4:183958817-183961272	inf	1
XLOC_016594	XLOC_016594	STOX2	chr4:184826508-184938875	inf	1
XLOC_016607	XLOC_016607	TRIML1	chr4:189060597-189068649	inf	1
XLOC_016670	XLOC_016670	ZNF518B	chr4:10441503-10459032	inf	1
XLOC_016707	XLOC_016707	TLR10	chr4:38773859-38784611	inf	1
XLOC_016726	XLOC_016726	GABRG1	chr4:46037786-46126082	inf	1
XLOC_016777	XLOC_016777	UGT2A1,UGT2A2	chr4:70454134-70518967	inf	1
XLOC_016833	XLOC_016833	SLC10A6	chr4:87744620-87770416	inf	1
XLOC_016887	XLOC_016887	COL25A1	chr4:109731876-110223799	inf	1
XLOC_016991	XLOC_016991	SPOCK3	chr4:167654535-168155741	inf	1
XLOC_017017	XLOC_017017	CLDN24	chr4:184242916-184243579	inf	1
XLOC_017027	XLOC_017027	LOC731424	chr4:185764449-185768200	inf	1
XLOC_017101	XLOC_017101	TTC23L	chr5:34839268-34899564	inf	1
XLOC_017117	XLOC_017117	GHR	chr5:42423876-42721980	inf	1
XLOC_017137	XLOC_017137	DDX4	chr5:55033844-55112974	inf	1
XLOC_017147	XLOC_017147	C5orf64	chr5:60933635-61002362	inf	1
XLOC_017219	XLOC_017219	CKMT2	chr5:80256507-81047072	inf	1
XLOC_017275	XLOC_017275	LOC728342	chr5:116751207-116915439	inf	1
XLOC_017280	XLOC_017280	FAM170A	chr5:118965253-118971517	inf	1
XLOC_017291	XLOC_017291	GRAMD3	chr5:125695787-125829853	inf	1
XLOC_017293	XLOC_017293	C5orf48	chr5:125967413-125971974	inf	1
XLOC_017333	XLOC_017333	SLC25A48	chr5:135170364-135224326	inf	1
XLOC_017389	XLOC_017389	LOC100505658	chr5:140894587-140998622	inf	1
XLOC_017417	XLOC_017417	MIR143,MIR143HG,MIR145	chr5:148786439-148812399	inf	1
XLOC_017423	XLOC_017423	SLC6A7	chr5:149569519-149590635	inf	1

XLOC_017442	XLOC_017442	SGCD	chr5:155753766-156194798	inf	1
XLOC_017464	XLOC_017464	TENM2	chr5:166711842-167691162	inf	1
XLOC_017556	XLOC_017556	SLC6A3	chr5:1392904-1445543	inf	1
XLOC_017570	XLOC_017570	LOC442132	chr5:7299486-7306827	inf	1
XLOC_017652	XLOC_017652	CDC20B	chr5:54408798-54469005	inf	1
XLOC_017667	XLOC_017667	PLK2	chr5:57749809-57755966	inf	1
XLOC_017707	XLOC_017707	OTP	chr5:76924536-76934522	inf	1
XLOC_017733	XLOC_017733	MEF2C	chr5:88014057-88199922	inf	1
XLOC_017748	XLOC_017748	PCSK1	chr5:95726039-95768985	inf	1
XLOC_017781	XLOC_017781	MGC32805	chr5:121647819-121814782	inf	1
XLOC_017806	XLOC_017806	FSTL4	chr5:132532151-132948223	inf	1
XLOC_017827	XLOC_017827	LOC389332	chr5:135527155-135528851	inf	1
XLOC_017849	XLOC_017849	ECSCR	chr5:138784244-138842320	inf	1
XLOC_017873	XLOC_017873	NR3C1	chr5:142657495-142815077	inf	1
XLOC_017927	XLOC_017927	EBF1	chr5:158122922-158526788	inf	1
XLOC_017986	XLOC_017986	GMCL1P1	chr5:177611510-177614433	inf	1
XLOC_018023	XLOC_018023	FOXC1	chr6:1610680-1614129	inf	1
XLOC_018033	XLOC_018033	C6orf201	chr6:4068592-4135831	inf	1
XLOC_018045	XLOC_018045	HULC	chr6:8435855-8785678	inf	1
XLOC_018166	XLOC_018166	TRIM40	chr6:30104509-30116512	inf	1
XLOC_018206	XLOC_018206	C6orf25	chr6:31691120-31694485	inf	1
XLOC_018296	XLOC_018296	GUCA1A	chr6:42123143-42147794	inf	1
XLOC_018338	XLOC_018338	GPR115	chr6:47666288-47689757	inf	1
XLOC_018358	XLOC_018358	FAM83B	chr6:54711568-54809897	inf	1
XLOC_018480	XLOC_018480	NKAIN2	chr6:124125068-125146786	inf	1
XLOC_018497	XLOC_018497	ARG1	chr6:131894343-131949379	inf	1
XLOC_018592	XLOC_018592	QKI	chr6:163835674-163999628	inf	1
XLOC_018602	XLOC_018602	SMOC2	chr6:168841830-169068674	inf	1
XLOC_018614	XLOC_018614	MYLK4	chr6:2663862-2751154	inf	1
XLOC_018635	XLOC_018635	CAGE1	chr6:7326886-7389942	inf	1
XLOC_018640	XLOC_018640	LINC00518	chr6:10428017-10435055	inf	1
XLOC_018668	XLOC_018668	FAM65B	chr6:24804512-24911195	inf	1
XLOC_018704	XLOC_018704	HIST1H3I	chr6:27839622-27840099	inf	1
XLOC_018757	XLOC_018757	SNORD117	chr6:31496738-31514625	inf	1
XLOC_018806	XLOC_018806	HLA-DPA1	chr6:33032345-33057473	inf	1
XLOC_018887	XLOC_018887	DLK2	chr6:43395291-43423786	inf	1
XLOC_018921	XLOC_018921	IL17F	chr6:52101483-52109298	inf	1
XLOC_018931	XLOC_018931	GCM1	chr6:52991759-53013624	inf	1
XLOC_018944	XLOC_018944	LGSN	chr6:63985855-64029882	inf	1
XLOC_018951	XLOC_018951	LINC00472	chr6:72124148-72130448	inf	1
XLOC_018961	XLOC_018961	COL12A1	chr6:75794041-75915623	inf	1
XLOC_018991	XLOC_018991	SRSF12	chr6:89805677-89827800	inf	1
XLOC_018998	XLOC_018998	BACH2	chr6:90636246-91006627	inf	1
XLOC_019079	XLOC_019079	OR2A4	chr6:131958441-132068550	inf	1
XLOC_019082	XLOC_019082	MOXD1	chr6:132617193-132722664	inf	1
XLOC_019150	XLOC_019150	IPCEF1	chr6:154331630-154677900	inf	1
XLOC_019171	XLOC_019171	LPA	chr6:160952514-161087407	inf	1
XLOC_020333	XLOC_020333	CYP2W1	chr7:1022834-1029276	inf	1
XLOC_020339	XLOC_020339	TFAMP1	chr7:1654105-1656328	inf	1
XLOC_020417	XLOC_020417	LOC100506497	chr7:29019582-29186153	inf	1
XLOC_020482	XLOC_020482	ABCA13	chr7:48211056-48687091	inf	1
XLOC_020534	XLOC_020534	PMS2L2	chr7:72476588-72519691	inf	1
XLOC_020582	XLOC_020582	MAGI2-AS3	chr7:77646373-79100524	inf	1
XLOC_020586	XLOC_020586	GRM3	chr7:86273229-86494192	inf	1
XLOC_020589	XLOC_020589	RUNDC3B	chr7:87133178-87461613	inf	1
XLOC_020722	XLOC_020722	LMOD2	chr7:123295860-123304147	inf	1
XLOC_020727	XLOC_020727	FSCN3	chr7:127233688-127241851	inf	1
XLOC_020745	XLOC_020745	LOC407835	chr7:128766324-128768050	inf	1
XLOC_020754	XLOC_020754	CPA2	chr7:129906702-129929637	inf	1
XLOC_020786	XLOC_020786	RAB19	chr7:140103842-140126050	inf	1
XLOC_020828	XLOC_020828	OR2A1	chr7:144015217-144016150	inf	1
XLOC_020831	XLOC_020831	CNTNAP2	chr7:145813452-148118088	inf	1
XLOC_020996	XLOC_020996	CRHR2	chr7:30691558-30739719	inf	1
XLOC_021009	XLOC_021009	DPY19L2P1	chr7:35120898-35225774	inf	1
XLOC_021024	XLOC_021024	INHBA	chr7:41728600-41818976	inf	1
XLOC_021074	XLOC_021074	NUPR1L	chr7:56182373-56184090	inf	1
XLOC_021116	XLOC_021116	NCF1C	chr7:74572383-74587816	inf	1
XLOC_021118	XLOC_021118	GATSL2	chr7:74807604-74867341	inf	1
XLOC_021119	XLOC_021119	PMS2L2	chr7:74964559-74988306	inf	1
XLOC_021123	XLOC_021123	CCL26	chr7:75398841-75419064	inf	1
XLOC_021164	XLOC_021164	CALCR	chr7:93053798-93204042	inf	1
XLOC_021195	XLOC_021195	CYP3A4	chr7:99354582-99381811	inf	1
XLOC_021244	XLOC_021244	RELN	chr7:103112230-103629963	inf	1
XLOC_021374	XLOC_021374	OR2A1	chr7:143929003-143929936	inf	1
XLOC_021456	XLOC_021456	LOC157273	chr8:9182560-9192590	inf	1
XLOC_021498	XLOC_021498	SFTPC	chr8:22019183-22021991	inf	1
XLOC_021501	XLOC_021501	PIWIL2	chr8:22132809-22213584	inf	1
XLOC_021591	XLOC_021591	SOX17	chr8:55370494-55373456	inf	1
XLOC_021610	XLOC_021610	LOC286184	chr8:64681987-64698054	inf	1

XLOC_021660	XLOC_021660	ATP6V0D2	chr8:87111138-87166454	inf	1
XLOC_021685	XLOC_021685	SDC2	chr8:97505881-97624037	inf	1
XLOC_021989	XLOC_021989	FAM150A	chr8:53446596-53478021	inf	1
XLOC_022016	XLOC_022016	LOC286186	chr8:66439242-66474901	inf	1
XLOC_022061	XLOC_022061	FABP12	chr8:82437280-82443550	inf	1
XLOC_022094	XLOC_022094	CDH17	chr8:95139393-95229531	inf	1
XLOC_022125	XLOC_022125	NCALD	chr8:102698769-103137135	inf	1
XLOC_022143	XLOC_022143	CSMD3	chr8:113235158-114449242	inf	1
XLOC_022223	XLOC_022223	CCDC166	chr8:144788863-144790279	inf	1
XLOC_022241	XLOC_022241	MIR1234	chr8:145597730-145634733	inf	1
XLOC_022266	XLOC_022266	GLIS3-AS1	chr9:3824127-4300035	inf	1
XLOC_022307	XLOC_022307	TEK	chr9:27109146-27230172	inf	1
XLOC_022316	XLOC_022316	ANKRD18B	chr9:33524410-33573001	inf	1
XLOC_022387	XLOC_022387	FAM189A2	chr9:71939487-72007370	inf	1
XLOC_022389	XLOC_022389	MAMDC2	chr9:72658496-72873790	inf	1
XLOC_022540	XLOC_022540	OR1Q1	chr9:125377016-125377961	inf	1
XLOC_022548	XLOC_022548	GPR21	chr9:125703287-125867147	inf	1
XLOC_022574	XLOC_022574	TTC16	chr9:130478357-130497628	inf	1
XLOC_022642	XLOC_022642	ADAMTSL2	chr9:136397285-136440641	inf	1
XLOC_022667	XLOC_022667	LOC100128593	chr9:139638468-139644363	inf	1
XLOC_022709	XLOC_022709	FLJ35024	chr9:2535654-2654485	inf	1
XLOC_022733	XLOC_022733	C9orf92	chr9:16203932-16276311	inf	1
XLOC_022845	XLOC_022845	LOC653501,ZNF658B	chr9:39443813-39464526	inf	1
XLOC_022870	XLOC_022870	TMEM252	chr9:71151497-71155783	inf	1
XLOC_022879	XLOC_022879	TRPM3	chr9:73149965-73736514	inf	1
XLOC_022894	XLOC_022894	GNA14	chr9:80037994-80263232	inf	1
XLOC_022897	XLOC_022897	RASEF	chr9:85594499-85678043	inf	1
XLOC_022935	XLOC_022935	OMD	chr9:95059639-95432547	inf	1
XLOC_022945	XLOC_022945	BARX1	chr9:96713908-96717608	inf	1
XLOC_022947	XLOC_022947	FAM22F	chr9:97080477-97090926	inf	1
XLOC_023081	XLOC_023081	MIR3911	chr9:130374485-130454995	inf	1
XLOC_023254	XLOC_023254	LOC100288814	chrX:9935397-9936042	inf	1
XLOC_023262	XLOC_023262	TLR7	chrX:12885201-12908480	inf	1
XLOC_023277	XLOC_023277	GRPR	chrX:16141423-16171641	inf	1
XLOC_023311	XLOC_023311	MAGEB10	chrX:27826106-27841131	inf	1
XLOC_023336	XLOC_023336	NYX	chrX:41306712-41334905	inf	1
XLOC_023418	XLOC_023418	GPR173	chrX:53078505-53109796	inf	1
XLOC_023424	XLOC_023424	SNORA11	chrX:54834170-54842445	inf	1
XLOC_023450	XLOC_023450	OTUD6A	chrX:69282340-69284029	inf	1
XLOC_023507	XLOC_023507	PCDH11X	chrX:91034259-91878228	inf	1
XLOC_023508	XLOC_023508	FAM133A	chrX:92929011-92967273	inf	1
XLOC_023515	XLOC_023515	TMEM35	chrX:100333835-100351355	inf	1
XLOC_023522	XLOC_023522	TCEAL2	chrX:101380659-101382684	inf	1
XLOC_023552	XLOC_023552	PIH1D3	chrX:106449861-106487473	inf	1
XLOC_023567	XLOC_023567	ZCCHC16	chrX:111326252-111700473	inf	1
XLOC_023602	XLOC_023602	SH2D1A	chrX:123480131-123507010	inf	1
XLOC_023659	XLOC_023659	FMR1NB	chrX:147062848-147108187	inf	1
XLOC_023665	XLOC_023665	MAGEA8	chrX:149009940-149014609	inf	1
XLOC_023679	XLOC_023679	MAGEA4	chrX:151081360-151093642	inf	1
XLOC_023702	XLOC_023702	OPN1LW	chrX:153409724-153424507	inf	1
XLOC_023747	XLOC_023747	VCX3A	chrX:6451658-6453159	inf	1
XLOC_023775	XLOC_023775	BEND2	chrX:18181050-18239024	inf	1
XLOC_023783	XLOC_023783	LOC729609	chrX:20004934-20007897	inf	1
XLOC_023825	XLOC_023825	MIR221	chrX:45605584-45605694	inf	1
XLOC_023927	XLOC_023927	RGAG4	chrX:71130937-71363424	inf	1
XLOC_023938	XLOC_023938	NAP1L2	chrX:72432136-72434710	inf	1
XLOC_023963	XLOC_023963	RPS6KA6	chrX:83313353-83442943	inf	1
XLOC_023992	XLOC_023992	TCEAL5	chrX:102528617-102531797	inf	1
XLOC_024012	XLOC_024012	COL4A6	chrX:107398836-107682704	inf	1
XLOC_024023	XLOC_024023	TRPC5	chrX:111017541-111326004	inf	1
XLOC_024038	XLOC_024038	SNORA69	chrX:118920468-118925606	inf	1
XLOC_024074	XLOC_024074	IGSF1	chrX:130407482-130423403	inf	1
XLOC_024127	XLOC_024127	SPANXE	chrX:140785567-140786655	inf	1
XLOC_024160	XLOC_024160	MAGEA10,MAGEA10-MAGEA5,M	chrX:151282520-151307050	inf	1
XLOC_024201	XLOC_024201	MPP1	chrX:154006958-154033802	inf	1
XLOC_024206	XLOC_024206	RAB39B	chrX:154487525-154493852	inf	1
XLOC_024305	XLOC_024305	UTY	chrY:15360258-15592550	inf	1
XLOC_000073	XLOC_000073	RBP7	chr1:10057254-10076078	#NAME?	1
XLOC_000138	XLOC_000138	PADI4	chr1:17634689-17690495	#NAME?	1
XLOC_000153	XLOC_000153	VWA5B1	chr1:20617411-20681387	#NAME?	1
XLOC_000204	XLOC_000204	CD52	chr1:26608772-26647014	#NAME?	1
XLOC_000225	XLOC_000225	THEMIS2	chr1:28199054-28213193	#NAME?	1
XLOC_000272	XLOC_000272	GJB5	chr1:35220647-35224113	#NAME?	1
XLOC_000353	XLOC_000353	SNORD46	chr1:45241245-45244412	#NAME?	1
XLOC_000413	XLOC_000413	BSND	chr1:55464616-55474465	#NAME?	1
XLOC_000414	XLOC_000414	PCSK9	chr1:55505148-55530526	#NAME?	1
XLOC_000477	XLOC_000477	IFI44	chr1:79115476-79129763	#NAME?	1
XLOC_000488	XLOC_000488	CLCA1	chr1:86934525-86965974	#NAME?	1
XLOC_000556	XLOC_000556	SRG7	chr1:109358519-109401146	#NAME?	1

XLOC_000578	XLOC_000578	SLC6A17	chr1:110693131-110744823	#NAME?	1
XLOC_000586	XLOC_000586	CHIAP2	chr1:111823145-111828730	#NAME?	1
XLOC_000623	XLOC_000623	HSD3B2	chr1:119957553-119965662	#NAME?	1
XLOC_000714	XLOC_000714	LCE1D	chr1:152769226-152770657	#NAME?	1
XLOC_000747	XLOC_000747	LENEP	chr1:154966061-154966791	#NAME?	1
XLOC_000749	XLOC_000749	DCST1	chr1:155006281-155042029	#NAME?	1
XLOC_000806	XLOC_000806	SLAMF8	chr1:159796478-159832447	#NAME?	1
XLOC_000831	XLOC_000831	FCGR2C	chr1:161551128-161571010	#NAME?	1
XLOC_000834	XLOC_000834	FCRLA	chr1:161676761-161684142	#NAME?	1
XLOC_000910	XLOC_000910	FAM163A	chr1:179712297-179785333	#NAME?	1
XLOC_000950	XLOC_000950	CFHR1	chr1:196788860-196801319	#NAME?	1
XLOC_000958	XLOC_000958	PTPRC	chr1:198608097-198726605	#NAME?	1
XLOC_000961	XLOC_000961	GPR25	chr1:200842082-200843306	#NAME?	1
XLOC_000964	XLOC_000964	PKP1	chr1:201252579-201302121	#NAME?	1
XLOC_000979	XLOC_000979	LOC641515	chr1:202794328-202795421	#NAME?	1
XLOC_000990	XLOC_000990	LAX1	chr1:203734283-203745480	#NAME?	1
XLOC_000997	XLOC_000997	CNTN2	chr1:205012339-205047171	#NAME?	1
XLOC_001011	XLOC_001011	IL19	chr1:206972214-207016326	#NAME?	1
XLOC_001046	XLOC_001046	LINC00538	chr1:214098091-214099996	#NAME?	1
XLOC_001066	XLOC_001066	FAM177B	chr1:222910557-222924002	#NAME?	1
XLOC_001078	XLOC_001078	MIXL1	chr1:226411382-226413513	#NAME?	1
XLOC_001079	XLOC_001079	C1orf95	chr1:226736500-226796915	#NAME?	1
XLOC_001112	XLOC_001112	SLC35F3	chr1:234040678-234460262	#NAME?	1
XLOC_001116	XLOC_001116	LOC100506810	chr1:234859788-234867390	#NAME?	1
XLOC_001133	XLOC_001133	SDCCAG8	chr1:243419306-244006886	#NAME?	1
XLOC_001229	XLOC_001229	TP73-AS1	chr1:3569128-3663937	#NAME?	1
XLOC_001270	XLOC_001270	NPPB	chr1:11917520-11918992	#NAME?	1
XLOC_001358	XLOC_001358	MYOM3	chr1:24382530-24438665	#NAME?	1
XLOC_001380	XLOC_001380	C1orf172	chr1:27276046-27286901	#NAME?	1
XLOC_001475	XLOC_001475	HEYL	chr1:40089102-40105348	#NAME?	1
XLOC_001489	XLOC_001489	EDN2	chr1:41944445-41950344	#NAME?	1
XLOC_001499	XLOC_001499	C1orf210	chr1:43747556-43751288	#NAME?	1
XLOC_001532	XLOC_001532	TAL1	chr1:47681962-47695443	#NAME?	1
XLOC_001552	XLOC_001552	SLC1A7	chr1:53552854-53608289	#NAME?	1
XLOC_001563	XLOC_001563	CDCP2	chr1:54604667-54618679	#NAME?	1
XLOC_001586	XLOC_001586	LINC00466	chr1:63624753-63782901	#NAME?	1
XLOC_001591	XLOC_001591	INSL5	chr1:67263423-67266942	#NAME?	1
XLOC_001604	XLOC_001604	PTGER3	chr1:71318035-71546972	#NAME?	1
XLOC_001641	XLOC_001641	GBP1	chr1:89517986-89531043	#NAME?	1
XLOC_001690	XLOC_001690	C1orf194	chr1:109648572-109656479	#NAME?	1
XLOC_001692	XLOC_001692	MYBPHL	chr1:109834986-109849663	#NAME?	1
XLOC_001706	XLOC_001706	LRIF1	chr1:111489811-111506566	#NAME?	1
XLOC_001712	XLOC_001712	ADORA3	chr1:112025969-112106597	#NAME?	1
XLOC_001742	XLOC_001742	VTCN1	chr1:117686208-117753582	#NAME?	1
XLOC_001778	XLOC_001778	GJA5	chr1:147228331-147245484	#NAME?	1
XLOC_001853	XLOC_001853	S100A5	chr1:153509622-153514241	#NAME?	1
XLOC_001875	XLOC_001875	KCNN3	chr1:154669941-154842754	#NAME?	1
XLOC_001909	XLOC_001909	C1orf61	chr1:156374054-156399184	#NAME?	1
XLOC_002047	XLOC_002047	SCARNA3	chr1:175913966-176176370	#NAME?	0.999791
XLOC_002050	XLOC_002050	SEC16B	chr1:177898241-177939050	#NAME?	1
XLOC_002055	XLOC_002055	NPHS2	chr1:179334854-179545084	#NAME?	1
XLOC_002063	XLOC_002063	TEDDM1	chr1:182367251-182369751	#NAME?	1
XLOC_002086	XLOC_002086	B3GALT2	chr1:193091087-193223942	#NAME?	1
XLOC_002132	XLOC_002132	GOLT1A	chr1:204167287-204183220	#NAME?	1
XLOC_002145	XLOC_002145	LOC284578	chr1:205523400-205525763	#NAME?	1
XLOC_002161	XLOC_002161	MIR29C	chr1:207975196-207975284	#NAME?	1
XLOC_002163	XLOC_002163	CD34	chr1:208059882-208084683	#NAME?	1
XLOC_002251	XLOC_002251	LOC100506795	chr1:234663636-234667525	#NAME?	1
XLOC_002364	XLOC_002364	MRC1	chr1:17851361-17953178	#NAME?	1
XLOC_002413	XLOC_002413	LINC00839	chr1:42970938-42990785	#NAME?	1
XLOC_002416	XLOC_002416	RET	chr1:43572516-43625797	#NAME?	1
XLOC_002418	XLOC_002418	FXRD4	chr1:43867091-43871783	#NAME?	1
XLOC_002442	XLOC_002442	CTSL1P2	chr1:48155942-48158691	#NAME?	1
XLOC_002450	XLOC_002450	WDFY4	chr1:49893517-50191001	#NAME?	1
XLOC_002456	XLOC_002456	MSMB	chr1:51549552-51562518	#NAME?	1
XLOC_002469	XLOC_002469	FAM133CP	chr1:60272903-60588845	#NAME?	1
XLOC_002548	XLOC_002548	SH2D4B	chr1:82297657-82406316	#NAME?	1
XLOC_002594	XLOC_002594	MARK2P9	chr1:94178417-94179363	#NAME?	1
XLOC_002609	XLOC_002609	CYP2C19	chr1:96522462-96612671	#NAME?	1
XLOC_002694	XLOC_002694	ADRA2A	chr1:112836789-112840662	#NAME?	1
XLOC_002700	XLOC_002700	HABP2	chr1:115310589-115423829	#NAME?	1
XLOC_002714	XLOC_002714	PNLIPRP2	chr1:118380464-118404654	#NAME?	1
XLOC_002776	XLOC_002776	PRAP1	chr1:135160843-135166187	#NAME?	1
XLOC_002793	XLOC_002793	LINC00704	chr1:4692376-4720262	#NAME?	1
XLOC_002806	XLOC_002806	SFMBT2	chr1:7200585-7453448	#NAME?	1
XLOC_002817	XLOC_002817	CCDC3	chr1:12938624-13043704	#NAME?	1
XLOC_002841	XLOC_002841	NEBL	chr1:21068902-21463852	#NAME?	1
XLOC_002863	XLOC_002863	ARMC4	chr1:28101096-28287977	#NAME?	1
XLOC_002892	XLOC_002892	RASGEF1A	chr1:43689983-43762367	#NAME?	1

XLOC_002896	XLOC_002896	HNRNPA3P1	chr10:44282859-44285865	#NAME?	1
XLOC_002910	XLOC_002910	HNRNPA1P33	chr10:47096453-47151400	#NAME?	1
XLOC_002916	XLOC_002916	GDF2	chr10:48413091-48416853	#NAME?	1
XLOC_002927	XLOC_002927	VSTM4	chr10:50222332-50323559	#NAME?	1
XLOC_002989	XLOC_002989	PLA2G12B	chr10:74694937-74714510	#NAME?	1
XLOC_003009	XLOC_003009	DUSP13	chr10:76854189-76868970	#NAME?	1
XLOC_003017	XLOC_003017	SFTPA2	chr10:81315607-81320163	#NAME?	1
XLOC_003022	XLOC_003022	DYDC1	chr10:82095860-82127829	#NAME?	1
XLOC_003037	XLOC_003037	FAS-AS1	chr10:90694830-90775542	#NAME?	1
XLOC_003066	XLOC_003066	BLNK	chr10:97951454-98031333	#NAME?	1
XLOC_003089	XLOC_003089	CPN1	chr10:101802064-101841642	#NAME?	1
XLOC_003145	XLOC_003145	AFAP1L2	chr10:116054582-116164515	#NAME?	1
XLOC_003147	XLOC_003147	GFRA1	chr10:117816441-118033126	#NAME?	1
XLOC_003246	XLOC_003246	KRTAP5-6	chr11:1490684-1785501	#NAME?	1
XLOC_003258	XLOC_003258	KCNQ1DN	chr11:2891262-2893336	#NAME?	1
XLOC_003262	XLOC_003262	TRPC2	chr11:3647689-3658789	#NAME?	1
XLOC_003272	XLOC_003272	OR52I1	chr11:4615268-4616243	#NAME?	1
XLOC_003286	XLOC_003286	OR52B6	chr11:5602106-5603114	#NAME?	1
XLOC_003294	XLOC_003294	OR56B4	chr11:6129008-6129968	#NAME?	1
XLOC_003307	XLOC_003307	OR2D3	chr11:6942232-6943225	#NAME?	1
XLOC_003311	XLOC_003311	SYT9	chr11:7273180-7490276	#NAME?	1
XLOC_003437	XLOC_003437	F2	chr11:46740742-46761056	#NAME?	1
XLOC_003514	XLOC_003514	OR10V2P	chr11:59516284-59517054	#NAME?	1
XLOC_003530	XLOC_003530	MS4A10	chr11:60552820-60568778	#NAME?	1
XLOC_003532	XLOC_003532	ZP1	chr11:60635014-60643164	#NAME?	1
XLOC_003535	XLOC_003535	CD6	chr11:60739112-60787848	#NAME?	1
XLOC_003589	XLOC_003589	KCNK4	chr11:64058792-64067503	#NAME?	1
XLOC_003627	XLOC_003627	SNX32	chr11:65601409-65621172	#NAME?	1
XLOC_003629	XLOC_003629	CTSW	chr11:65647283-65656010	#NAME?	1
XLOC_003641	XLOC_003641	TMEM151A	chr11:66059372-66064135	#NAME?	1
XLOC_003651	XLOC_003651	C11orf86	chr11:66742753-66744479	#NAME?	1
XLOC_003686	XLOC_003686	KRTAP5-7	chr11:71238312-71239210	#NAME?	1
XLOC_003692	XLOC_003692	LOC100129216	chr11:71576554-71639493	#NAME?	1
XLOC_003703	XLOC_003703	P2RY6	chr11:72975569-73009664	#NAME?	1
XLOC_003786	XLOC_003786	C11orf70	chr11:101918168-101955291	#NAME?	1
XLOC_003796	XLOC_003796	ELMOD1	chr11:107461816-107537505	#NAME?	1
XLOC_003830	XLOC_003830	NNMT	chr11:114166534-114183238	#NAME?	1
XLOC_003844	XLOC_003844	CD3G	chr11:118215058-118224497	#NAME?	1
XLOC_003848	XLOC_003848	TTC36	chr11:118398209-118401740	#NAME?	1
XLOC_003854	XLOC_003854	UPK2	chr11:118827007-118829269	#NAME?	1
XLOC_003907	XLOC_003907	DDX25	chr11:125774260-125793006	#NAME?	1
XLOC_003924	XLOC_003924	NTM	chr11:131240370-132206716	#NAME?	1
XLOC_003925	XLOC_003925	LOC100128239	chr11:133902166-133911236	#NAME?	1
XLOC_003935	XLOC_003935	IFITM5	chr11:298200-299526	#NAME?	1
XLOC_003960	XLOC_003960	KRTAP5-2	chr11:1490684-1785501	#NAME?	1
XLOC_004008	XLOC_004008	HBD	chr11:5254058-5255858	#NAME?	1
XLOC_004018	XLOC_004018	UBQLNL	chr11:5535622-5537956	#NAME?	1
XLOC_004042	XLOC_004042	OR2A2	chr11:6789237-6790188	#NAME?	1
XLOC_004043	XLOC_004043	OR6A2	chr11:6815755-6817139	#NAME?	1
XLOC_004050	XLOC_004050	LOC283299	chr11:7872297-7927502	#NAME?	1
XLOC_004095	XLOC_004095	USH1C	chr11:17515441-17565963	#NAME?	1
XLOC_004106	XLOC_004106	PTPN5	chr11:18749474-18813389	#NAME?	1
XLOC_004153	XLOC_004153	SYT13	chr11:45261852-45307884	#NAME?	1
XLOC_004280	XLOC_004280	SNORD29	chr11:62619459-62623360	#NAME?	1
XLOC_004318	XLOC_004318	LOC100130348	chr11:64851693-64856542	#NAME?	1
XLOC_004485	XLOC_004485	ANGPTL5	chr11:101761404-101871793	#NAME?	1
XLOC_004501	XLOC_004501	CASP5	chr11:104864966-104893895	#NAME?	1
XLOC_004556	XLOC_004556	SCN2B	chr11:118033518-118047337	#NAME?	1
XLOC_004557	XLOC_004557	AMICA1	chr11:118064441-118095809	#NAME?	1
XLOC_004563	XLOC_004563	TREH	chr11:118528941-118550381	#NAME?	1
XLOC_004576	XLOC_004576	THY1	chr11:119252487-119369944	#NAME?	1
XLOC_004587	XLOC_004587	CLMP	chr11:122943032-123066007	#NAME?	1
XLOC_004613	XLOC_004613	PATE2	chr11:125646027-125648714	#NAME?	1
XLOC_004619	XLOC_004619	KIRREL3	chr11:126293395-126870766	#NAME?	1
XLOC_004630	XLOC_004630	ADAMTS8	chr11:130274817-130298539	#NAME?	1
XLOC_004710	XLOC_004710	CLEC4D	chr12:8666135-8674960	#NAME?	1
XLOC_004712	XLOC_004712	A2ML1	chr12:8975149-9029381	#NAME?	1
XLOC_004770	XLOC_004770	C12orf39	chr12:21679255-21684210	#NAME?	1
XLOC_004812	XLOC_004812	PCED1B	chr12:47602202-47630443	#NAME?	1
XLOC_004820	XLOC_004820	OR8S1	chr12:48919414-48921886	#NAME?	1
XLOC_004821	XLOC_004821	LOC255411	chr12:49121217-49159569	#NAME?	1
XLOC_004853	XLOC_004853	ACVRL1	chr12:52301201-52317145	#NAME?	1
XLOC_004887	XLOC_004887	LOC100240734	chr12:54452037-54516018	#NAME?	1
XLOC_004972	XLOC_004972	IRAK3	chr12:66582977-66648394	#NAME?	1
XLOC_005182	XLOC_005182	LOC100507206	chr12:127215246-127256808	#NAME?	1
XLOC_005220	XLOC_005220	CACNA2D4	chr12:1901122-2027870	#NAME?	1
XLOC_005282	XLOC_005282	CLECL1	chr12:9868455-9885895	#NAME?	1
XLOC_005288	XLOC_005288	CLECTA	chr12:10269375-10282868	#NAME?	1
XLOC_005292	XLOC_005292	KLRC2	chr12:10583205-10588592	#NAME?	1

XLOC_005311	XLOC_005311	TAS2R30	chr12:10998447-11328619	#NAME?	1
XLOC_005353	XLOC_005353	BCAT1	chr12:24962957-25102393	#NAME?	1
XLOC_005414	XLOC_005414	LALBA	chr12:48961466-48963829	#NAME?	1
XLOC_005417	XLOC_005417	SNORA2A	chr12:49046994-49076035	#NAME?	1
XLOC_005418	XLOC_005418	SNORA2B	chr12:49046994-49076035	#NAME?	1
XLOC_005426	XLOC_005426	WNT10B	chr12:49359122-49365641	#NAME?	1
XLOC_005441	XLOC_005441	FAIM2	chr12:50260678-50297760	#NAME?	1
XLOC_005458	XLOC_005458	LOC283403	chr12:52599364-52604639	#NAME?	1
XLOC_005460	XLOC_005460	KRT83	chr12:52708084-52715182	#NAME?	1
XLOC_005461	XLOC_005461	KRT85	chr12:52753789-52761309	#NAME?	1
XLOC_005478	XLOC_005478	KRT4	chr12:53200326-53207900	#NAME?	1
XLOC_005500	XLOC_005500	GPR84	chr12:54756228-54758270	#NAME?	1
XLOC_005524	XLOC_005524	APOF	chr12:56754354-56756583	#NAME?	1
XLOC_005683	XLOC_005683	SVOP	chr12:109304657-109458845	#NAME?	1
XLOC_005714	XLOC_005714	SDS	chr12:113830250-113841692	#NAME?	1
XLOC_005746	XLOC_005746	HNF1A-AS1	chr12:121407640-121410095	#NAME?	1
XLOC_005790	XLOC_005790	GALNT9	chr12:132680916-132905905	#NAME?	1
XLOC_005809	XLOC_005809	SGCG	chr13:23755059-23899304	#NAME?	1
XLOC_005823	XLOC_005823	WASF3	chr13:27131839-27263082	#NAME?	1
XLOC_005843	XLOC_005843	RXFP2	chr13:32313678-32377009	#NAME?	1
XLOC_005860	XLOC_005860	FREM2	chr13:39261172-39461267	#NAME?	1
XLOC_005926	XLOC_005926	OR7E156P	chr13:64311567-64316701	#NAME?	1
XLOC_005946	XLOC_005946	POU4F1-AS1	chr13:78628989-79233314	#NAME?	1
XLOC_005955	XLOC_005955	GPC5	chr13:92050934-93519487	#NAME?	1
XLOC_005987	XLOC_005987	MYO16	chr13:109248499-109860355	#NAME?	1
XLOC_005988	XLOC_005988	COL4A2	chr13:110959630-111165373	#NAME?	1
XLOC_005998	XLOC_005998	F7	chr13:113760101-113774995	#NAME?	1
XLOC_006034	XLOC_006034	ANKRD20A19P	chr13:24481422-24523454	#NAME?	1
XLOC_006058	XLOC_006058	LINC00426	chr13:30914406-30948036	#NAME?	1
XLOC_006101	XLOC_006101	LINC00330	chr13:45373639-45383766	#NAME?	1
XLOC_006108	XLOC_006108	SIAH3	chr13:46354415-46425846	#NAME?	1
XLOC_006145	XLOC_006145	PCDH8	chr13:53418108-53422775	#NAME?	1
XLOC_006220	XLOC_006220	COL4A1	chr13:110801309-110959496	#NAME?	1
XLOC_006252	XLOC_006252	OR11H4	chr14:20710950-20711925	#NAME?	1
XLOC_006262	XLOC_006262	ECRP	chr14:21387499-21388335	#NAME?	1
XLOC_006318	XLOC_006318	NPAS3	chr14:33408458-34273382	#NAME?	1
XLOC_006324	XLOC_006324	INSM2	chr14:36003247-36006260	#NAME?	1
XLOC_006378	XLOC_006378	DACT1	chr14:59100785-59115038	#NAME?	1
XLOC_006387	XLOC_006387	PRKCH	chr14:61788514-62017698	#NAME?	1
XLOC_006405	XLOC_006405	LINC00238	chr14:66953108-66965271	#NAME?	1
XLOC_006412	XLOC_006412	RDH12	chr14:68168602-68201168	#NAME?	1
XLOC_006416	XLOC_006416	GALNT16	chr14:69726680-69821190	#NAME?	1
XLOC_006473	XLOC_006473	NRXN3	chr14:78636715-80334633	#NAME?	1
XLOC_006479	XLOC_006479	LOC283587	chr14:88490893-88553688	#NAME?	1
XLOC_006484	XLOC_006484	FOXN3-AS2	chr14:89622515-90085494	#NAME?	1
XLOC_006496	XLOC_006496	CHGA	chr14:93389444-93401638	#NAME?	1
XLOC_006510	XLOC_006510	SERPINA3	chr14:95078713-95090390	#NAME?	1
XLOC_006660	XLOC_006660	PLD4	chr14:105391186-105399573	#NAME?	1
XLOC_006676	XLOC_006676	OR11H2	chr14:20181062-20182491	#NAME?	1
XLOC_006684	XLOC_006684	KLHL33	chr14:20896969-20903801	#NAME?	1
XLOC_006688	XLOC_006688	RNASE11,RNASE12	chr14:21051051-21058982	#NAME?	1
XLOC_006699	XLOC_006699	SNORD9	chr14:21853352-21905457	#NAME?	1
XLOC_006741	XLOC_006741	ADCY4	chr14:24787554-24804277	#NAME?	1
XLOC_006807	XLOC_006807	TRIM9	chr14:51441980-51562422	#NAME?	1
XLOC_006825	XLOC_006825	TBPL2	chr14:55880929-55907263	#NAME?	1
XLOC_006841	XLOC_006841	SIX1	chr14:61111416-61116155	#NAME?	1
XLOC_006873	XLOC_006873	SLC10A1	chr14:70242551-70264006	#NAME?	1
XLOC_006917	XLOC_006917	DIO2	chr14:80663867-80921810	#NAME?	1
XLOC_006961	XLOC_006961	LINC00341	chr14:95873603-95876427	#NAME?	1
XLOC_007014	XLOC_007014	GOLGA8EP	chr15:23435069-23448423	#NAME?	1
XLOC_007112	XLOC_007112	DKFZP434L187	chr15:30488238-30506743	#NAME?	1
XLOC_007129	XLOC_007129	ATPBD4-AS1	chr15:35663169-36151202	#NAME?	1
XLOC_007214	XLOC_007214	DCAF13P3	chr15:51200868-51298097	#NAME?	1
XLOC_007282	XLOC_007282	NR2E3	chr15:72102893-72110597	#NAME?	1
XLOC_007300	XLOC_007300	LOC729739	chr15:74630102-74660081	#NAME?	1
XLOC_007306	XLOC_007306	LMAN1L	chr15:75105193-75118099	#NAME?	1
XLOC_007321	XLOC_007321	ISL2	chr15:76629146-76634816	#NAME?	1
XLOC_007348	XLOC_007348	C15orf26	chr15:81426643-81441516	#NAME?	1
XLOC_007357	XLOC_007357	UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	chr15:83023772-83084729	#NAME?	1
XLOC_007416	XLOC_007416	ASB9P1	chr15:93338713-93340338	#NAME?	1
XLOC_007422	XLOC_007422	LOC145820	chr15:95976321-96051076	#NAME?	1
XLOC_007443	XLOC_007443	NBEAP1	chr15:20874796-20961480	#NAME?	1
XLOC_007451	XLOC_007451	GOLGA8BP	chr15:22702284-22715728	#NAME?	1
XLOC_007466	XLOC_007466	OCA2	chr15:28000022-28344458	#NAME?	1
XLOC_007495	XLOC_007495	ACTC1	chr15:35080296-35087927	#NAME?	1
XLOC_007505	XLOC_007505	GPR176	chr15:40091222-40213093	#NAME?	1
XLOC_007529	XLOC_007529	PLA2G4D	chr15:42359880-42386752	#NAME?	1
XLOC_007559	XLOC_007559	DUOXA1	chr15:45406522-45422075	#NAME?	1
XLOC_007578	XLOC_007578	TNFAIP8L3	chr15:51348798-51397473	#NAME?	1

XLOC_007590	XLOC_007590	ONECUT1	chr15:53049159-53082209	#NAME?	1
XLOC_007638	XLOC_007638	IGDCC3	chr15:65619464-65670378	#NAME?	1
XLOC_007658	XLOC_007658	ITGA11	chr15:68594041-68724492	#NAME?	1
XLOC_007789	XLOC_007789	LOC91948	chr15:98285845-98417659	#NAME?	1
XLOC_007811	XLOC_007811	HBZ	chr16:202853-204504	#NAME?	1
XLOC_007826	XLOC_007826	C16orf11	chr16:610421-615529	#NAME?	1
XLOC_007827	XLOC_007827	NHLRC4	chr16:617031-619495	#NAME?	1
XLOC_007921	XLOC_007921	C16orf96	chr16:4606490-4650318	#NAME?	1
XLOC_007927	XLOC_007927	SEC14L5	chr16:5008317-5069156	#NAME?	1
XLOC_007938	XLOC_007938	CIITA	chr16:10971054-11018840	#NAME?	1
XLOC_007942	XLOC_007942	TNFRSF17	chr16:12058963-12061925	#NAME?	1
XLOC_008001	XLOC_008001	PRKCB	chr16:23847299-24231932	#NAME?	1
XLOC_008052	XLOC_008052	ITGAL	chr16:30483982-30534506	#NAME?	1
XLOC_008061	XLOC_008061	MIR762	chr16:30899115-30905399	#NAME?	1
XLOC_008075	XLOC_008075	ITGAD	chr16:31404632-31437826	#NAME?	1
XLOC_008113	XLOC_008113	GNAO1	chr16:56225250-56391356	#NAME?	1
XLOC_008139	XLOC_008139	CCL22	chr16:57392694-57400102	#NAME?	1
XLOC_008240	XLOC_008240	VAT1L	chr16:77822482-78014001	#NAME?	1
XLOC_008348	XLOC_008348	RPL3L	chr16:1994579-2004679	#NAME?	1
XLOC_008371	XLOC_008371	PRSS33	chr16:2833953-2836708	#NAME?	1
XLOC_008372	XLOC_008372	PRSS30P	chr16:2889573-2892752	#NAME?	1
XLOC_008401	XLOC_008401	SEPT12	chr16:4827614-4846492	#NAME?	1
XLOC_008406	XLOC_008406	C16orf89	chr16:5094122-5116146	#NAME?	1
XLOC_008499	XLOC_008499	C16orf54	chr16:29753785-29757340	#NAME?	1
XLOC_008566	XLOC_008566	ZNF423	chr16:49524514-49891830	#NAME?	1
XLOC_008568	XLOC_008568	SNX20	chr16:50700210-50715264	#NAME?	1
XLOC_008606	XLOC_008606	LOC283867	chr16:65318401-65610203	#NAME?	1
XLOC_008667	XLOC_008667	PKD1L3	chr16:71928310-72033877	#NAME?	1
XLOC_008829	XLOC_008829	ATP1B2	chr17:7554253-7561089	#NAME?	1
XLOC_008857	XLOC_008857	DNAH9	chr17:11501747-11873065	#NAME?	1
XLOC_008871	XLOC_008871	MEIS3P1	chr17:15690163-15693019	#NAME?	1
XLOC_008883	XLOC_008883	FAM106CP	chr17:16690205-16707819	#NAME?	1
XLOC_008950	XLOC_008950	CRYBA1	chr17:27573874-27581502	#NAME?	1
XLOC_008967	XLOC_008967	DRXP4	chr17:29297955-29326929	#NAME?	1
XLOC_008982	XLOC_008982	SPACA3	chr17:31318881-31324892	#NAME?	1
XLOC_008992	XLOC_008992	UNC45B	chr17:33474835-33516364	#NAME?	1
XLOC_009085	XLOC_009085	G6PC	chr17:41052813-41066450	#NAME?	1
XLOC_009132	XLOC_009132	MYL4	chr17:45286427-45301045	#NAME?	1
XLOC_009154	XLOC_009154	NGFR	chr17:47572654-47592382	#NAME?	1
XLOC_009155	XLOC_009155	NXP3	chr17:47653297-47661171	#NAME?	1
XLOC_009230	XLOC_009230	TCAM1P	chr17:61934375-61941739	#NAME?	1
XLOC_009240	XLOC_009240	CACNG4	chr17:64960979-65029518	#NAME?	1
XLOC_009241	XLOC_009241	CACNG1	chr17:65040651-65052911	#NAME?	1
XLOC_009267	XLOC_009267	CD300A	chr17:72462521-72480937	#NAME?	1
XLOC_009290	XLOC_009290	ITGB4	chr17:73717515-73753899	#NAME?	1
XLOC_009410	XLOC_009410	ATP2A3	chr17:3827162-3867758	#NAME?	1
XLOC_009426	XLOC_009426	SLC52A1	chr17:4935896-4938727	#NAME?	1
XLOC_009441	XLOC_009441	SLC13A5	chr17:6588038-6616740	#NAME?	1
XLOC_009442	XLOC_009442	TEKT1	chr17:6703299-6735060	#NAME?	1
XLOC_009487	XLOC_009487	CCDC42	chr17:8633245-8648154	#NAME?	1
XLOC_009495	XLOC_009495	GAS7	chr17:9813925-10101868	#NAME?	1
XLOC_009499	XLOC_009499	MYH1	chr17:10395626-10421859	#NAME?	1
XLOC_009522	XLOC_009522	ZNF287	chr17:16453630-16472520	#NAME?	1
XLOC_009603	XLOC_009603	EVI2A	chr17:29421944-29704695	#NAME?	1
XLOC_009633	XLOC_009633	TBC1D3B	chr17:34493060-34503988	#NAME?	1
XLOC_009635	XLOC_009635	TBC1D3C	chr17:34581084-34592032	#NAME?	1
XLOC_009697	XLOC_009697	KRTAP2-2	chr17:39210750-39211463	#NAME?	1
XLOC_009701	XLOC_009701	KRTAP4-11	chr17:39273433-39274606	#NAME?	1
XLOC_009704	XLOC_009704	KRTAP4-5	chr17:39305175-39306054	#NAME?	1
XLOC_009742	XLOC_009742	HCRT	chr17:40336077-40337470	#NAME?	1
XLOC_009762	XLOC_009762	MEOX1	chr17:41717757-41739262	#NAME?	1
XLOC_009767	XLOC_009767	PPY	chr17:42018171-42019833	#NAME?	1
XLOC_009768	XLOC_009768	PYY	chr17:42030106-42081837	#NAME?	1
XLOC_009872	XLOC_009872	HSF5	chr17:56497528-56565759	#NAME?	1
XLOC_009892	XLOC_009892	NACA2	chr17:59666793-59668563	#NAME?	1
XLOC_009918	XLOC_009918	MIR5047	chr17:62494373-62502484	#NAME?	1
XLOC_009954	XLOC_009954	CD300E	chr17:72606021-72619897	#NAME?	1
XLOC_009998	XLOC_009998	FLJ45079	chr17:75875082-75880169	#NAME?	1
XLOC_010158	XLOC_010158	AQP4-AS1	chr18:24432007-24765302	#NAME?	1
XLOC_010168	XLOC_010168	WBP11P1	chr18:30091625-30094597	#NAME?	1
XLOC_010186	XLOC_010186	SLC14A2	chr18:42792946-43263060	#NAME?	1
XLOC_010187	XLOC_010187	SLC14A1	chr18:43304091-43332485	#NAME?	1
XLOC_010208	XLOC_010208	RAB27B	chr18:52495707-52562747	#NAME?	1
XLOC_010218	XLOC_010218	ZNF532	chr18:56530060-56653709	#NAME?	1
XLOC_010233	XLOC_010233	SERPINB2	chr18:61554938-61571124	#NAME?	1
XLOC_010317	XLOC_010317	CDH2	chr18:25530929-25757445	#NAME?	1
XLOC_010337	XLOC_010337	CELF4	chr18:34823007-35146000	#NAME?	1
XLOC_010373	XLOC_010373	SNORA37	chr18:51677970-51751158	#NAME?	0.999791
XLOC_010379	XLOC_010379	LINC-ROR	chr18:54721803-54739350	#NAME?	1

XLOC_010384	XLOC_010384	ALPK2	chr18:56148481-56296189	#NAME?	1
XLOC_010402	XLOC_010402	CD226	chr18:67530192-67624232	#NAME?	1
XLOC_010434	XLOC_010434	AZU1	chr19:827830-832017	#NAME?	1
XLOC_010542	XLOC_010542	CLEC4M	chr19:7828034-7834491	#NAME?	1
XLOC_010629	XLOC_010629	MIR181D	chr19:13985688-13985825	#NAME?	1
XLOC_010633	XLOC_010633	RLN3	chr19:14139016-14141783	#NAME?	1
XLOC_010688	XLOC_010688	SLC5A5	chr19:17982781-18005983	#NAME?	1
XLOC_010776	XLOC_010776	FXYD3	chr19:35606731-35615228	#NAME?	1
XLOC_010782	XLOC_010782	HAMP	chr19:35773409-35776045	#NAME?	1
XLOC_010788	XLOC_010788	FFAR2	chr19:35940616-35942669	#NAME?	1
XLOC_010795	XLOC_010795	UPK1A	chr19:36157714-36169367	#NAME?	1
XLOC_010808	XLOC_010808	OVOL3	chr19:36602104-36616849	#NAME?	1
XLOC_010844	XLOC_010844	NCCRP1	chr19:39687603-39692522	#NAME?	1
XLOC_010856	XLOC_010856	LOC100129935	chr19:40129324-40133041	#NAME?	1
XLOC_010876	XLOC_010876	CYP2S1	chr19:41699114-41713444	#NAME?	1
XLOC_010902	XLOC_010902	TEX101	chr19:43892762-43922767	#NAME?	1
XLOC_010933	XLOC_010933	APOC2,APOC4	chr19:45445494-45452822	#NAME?	1
XLOC_011018	XLOC_011018	CCDC155	chr19:49891474-49921256	#NAME?	1
XLOC_011019	XLOC_011019	LOC100507003	chr19:49929687-49932075	#NAME?	1
XLOC_011026	XLOC_011026	SNORD35A	chr19:49990810-49995564	#NAME?	1
XLOC_011156	XLOC_011156	CACNG6	chr19:54495541-54515920	#NAME?	1
XLOC_011199	XLOC_011199	NLRP8	chr19:56459197-56499995	#NAME?	1
XLOC_011214	XLOC_011214	USP29	chr19:57631508-57643293	#NAME?	1
XLOC_011307	XLOC_011307	C19orf77	chr19:3474404-3480540	#NAME?	1
XLOC_011337	XLOC_011337	PTPRS	chr19:5205518-5340814	#NAME?	1
XLOC_011344	XLOC_011344	FUT6	chr19:5830636-5839742	#NAME?	1
XLOC_011367	XLOC_011367	MBD3L3	chr19:7056215-7058645	#NAME?	1
XLOC_011409	XLOC_011409	COL5A3	chr19:10070236-10121147	#NAME?	1
XLOC_011468	XLOC_011468	LYL1	chr19:13209841-13213974	#NAME?	1
XLOC_011494	XLOC_011494	SLC1A6	chr19:15060844-15121455	#NAME?	1
XLOC_011508	XLOC_011508	CIB3	chr19:16272178-16284286	#NAME?	1
XLOC_011515	XLOC_011515	CPAMD8	chr19:17003761-17137625	#NAME?	1
XLOC_011524	XLOC_011524	NXNL1	chr19:17566233-17571725	#NAME?	1
XLOC_011559	XLOC_011559	ZNF682	chr19:20115226-20150277	#NAME?	1
XLOC_011564	XLOC_011564	ZNF626	chr19:20802744-20844402	#NAME?	1
XLOC_011568	XLOC_011568	ZNF208	chr19:22148896-22193745	#NAME?	1
XLOC_011604	XLOC_011604	ATP4A	chr19:36041094-36054560	#NAME?	1
XLOC_011605	XLOC_011605	UPK1A-AS1	chr19:36157714-36169367	#NAME?	1
XLOC_011718	XLOC_011718	PSG11	chr19:43511808-43530631	#NAME?	1
XLOC_011721	XLOC_011721	PSG4	chr19:43696853-43709926	#NAME?	1
XLOC_011751	XLOC_011751	CKM	chr19:45809670-45826235	#NAME?	1
XLOC_011773	XLOC_011773	IGFL4	chr19:46543005-46544274	#NAME?	1
XLOC_011777	XLOC_011777	PNMAL1	chr19:46969747-46974820	#NAME?	1
XLOC_011792	XLOC_011792	MIR3191	chr19:47724078-47736023	#NAME?	1
XLOC_011896	XLOC_011896	NKG7	chr19:51874873-51875960	#NAME?	1
XLOC_011897	XLOC_011897	LIM2	chr19:51883162-51891210	#NAME?	1
XLOC_011904	XLOC_011904	SIGLEC5	chr19:52114755-52133727	#NAME?	1
XLOC_011932	XLOC_011932	LOC284379	chr19:54102884-54106751	#NAME?	1
XLOC_011987	XLOC_011987	PEG3,ZIM2	chr19:57285922-57352097	#NAME?	1
XLOC_012185	XLOC_012185	RPL23AP32	chr2:54683453-54898583	#NAME?	1
XLOC_012213	XLOC_012213	MEIS1	chr2:66662531-66799891	#NAME?	1
XLOC_012266	XLOC_012266	CTNNA2	chr2:79740059-80875988	#NAME?	1
XLOC_012280	XLOC_012280	GNLY	chr2:85921413-85925875	#NAME?	1
XLOC_012311	XLOC_012311	ITPR1PL1	chr2:96991061-96994091	#NAME?	1
XLOC_012339	XLOC_012339	IL1R1	chr2:102770401-102796334	#NAME?	1
XLOC_012351	XLOC_012351	GPR45	chr2:105858199-105859924	#NAME?	1
XLOC_012384	XLOC_012384	IL36G	chr2:113735605-113743227	#NAME?	1
XLOC_012423	XLOC_012423	RAB6C	chr2:130724164-130740311	#NAME?	1
XLOC_012457	XLOC_012457	KYNU	chr2:143635194-143799885	#NAME?	1
XLOC_012461	XLOC_012461	PABPC1P2	chr2:147344624-147348558	#NAME?	1
XLOC_012465	XLOC_012465	KIF5C	chr2:149632791-149883273	#NAME?	1
XLOC_012474	XLOC_012474	KCNJ3	chr2:155555092-155714864	#NAME?	1
XLOC_012477	XLOC_012477	UPP2	chr2:158851690-158992666	#NAME?	1
XLOC_012497	XLOC_012497	DHRS9	chr2:169921298-169952677	#NAME?	1
XLOC_012499	XLOC_012499	KLHL41	chr2:170366211-170382772	#NAME?	1
XLOC_012523	XLOC_012523	HOXD13	chr2:176957531-176960666	#NAME?	1
XLOC_012549	XLOC_012549	FISP2	chr2:186603354-186698016	#NAME?	1
XLOC_012581	XLOC_012581	AOX2P	chr2:201560445-201658941	#NAME?	1
XLOC_012602	XLOC_012602	CTLA4	chr2:204732510-204738683	#NAME?	1
XLOC_012608	XLOC_012608	SNORA41	chr2:207024317-207027653	#NAME?	1
XLOC_012663	XLOC_012663	DES	chr2:220283098-220291461	#NAME?	1
XLOC_012681	XLOC_012681	COL4A3	chr2:228029280-228179508	#NAME?	1
XLOC_012707	XLOC_012707	CHRND	chr2:233390869-233401375	#NAME?	1
XLOC_012735	XLOC_012735	LOC643387	chr2:239140326-239142985	#NAME?	1
XLOC_012767	XLOC_012767	PXDN	chr2:1635658-1748291	#NAME?	1
XLOC_012813	XLOC_012813	LOC645949	chr2:21910305-21933524	#NAME?	1
XLOC_012874	XLOC_012874	CYP1B1	chr2:38294745-38303323	#NAME?	1
XLOC_012885	XLOC_012885	C2orf91	chr2:42162507-42180943	#NAME?	1
XLOC_012888	XLOC_012888	OXER1	chr2:42989638-42991401	#NAME?	1

XLOC_012893	XLOC_012893	ABCG5	chr2:44039610-44065958	#NAME?	1
XLOC_012898	XLOC_012898	UNQ6975	chr2:45401479-45482080	#NAME?	1
XLOC_012913	XLOC_012913	TSPYL6	chr2:54342409-54532435	#NAME?	1
XLOC_012937	XLOC_012937	DBIL5P2	chr2:63344985-63346677	#NAME?	1
XLOC_012943	XLOC_012943	LOC400958	chr2:65128973-65159581	#NAME?	1
XLOC_012959	XLOC_012959	SNORA36C	chr2:69685126-69870977	#NAME?	1
XLOC_012967	XLOC_012967	ADD2	chr2:70889215-70995375	#NAME?	1
XLOC_012999	XLOC_012999	TACR1	chr2:75273589-75426645	#NAME?	1
XLOC_013066	XLOC_013066	LYG2	chr2:99858710-99871570	#NAME?	1
XLOC_013087	XLOC_013087	ST6GAL2	chr2:107418055-107503563	#NAME?	1
XLOC_013088	XLOC_013088	LOC729121	chr2:108439519-108442583	#NAME?	1
XLOC_013110	XLOC_013110	IL1A	chr2:113531491-113542971	#NAME?	1
XLOC_013150	XLOC_013150	LOC100216479	chr2:131174325-131186119	#NAME?	1
XLOC_013154	XLOC_013154	WTH3DI	chr2:132118064-132121731	#NAME?	1
XLOC_013155	XLOC_013155	LOC401010	chr2:132199733-132202467	#NAME?	1
XLOC_013187	XLOC_013187	LOC100144595	chr2:154728425-155313950	#NAME?	1
XLOC_013212	XLOC_013212	SCN3A	chr2:165944029-166060577	#NAME?	1
XLOC_013308	XLOC_013308	CFAR-AS1	chr2:201980876-202037411	#NAME?	1
XLOC_013341	XLOC_013341	ERBB4	chr2:212240441-213403352	#NAME?	1
XLOC_013358	XLOC_013358	CXCR1	chr2:219027567-219031716	#NAME?	1
XLOC_013365	XLOC_013365	FEV	chr2:219845808-219850379	#NAME?	1
XLOC_013368	XLOC_013368	CCDC108	chr2:219866936-219906245	#NAME?	1
XLOC_013389	XLOC_013389	SCG2	chr2:224461657-224467217	#NAME?	1
XLOC_013409	XLOC_013409	LOC151475	chr2:231555635-231565244	#NAME?	1
XLOC_013414	XLOC_013414	SNORA75	chr2:232319458-232329205	#NAME?	1
XLOC_013445	XLOC_013445	MIR4440	chr2:239969863-240322643	#NAME?	1
XLOC_013447	XLOC_013447	MGC16025	chr2:239969863-240322643	#NAME?	1
XLOC_013455	XLOC_013455	OTOS	chr2:241078445-241080073	#NAME?	1
XLOC_013492	XLOC_013492	SNORD110	chr20:2633177-2639039	#NAME?	1
XLOC_013503	XLOC_013503	UBOX5-AS1	chr20:3087556-3140556	#NAME?	1
XLOC_013532	XLOC_013532	ISM1	chr20:13202417-13281297	#NAME?	1
XLOC_013537	XLOC_013537	PCSK2	chr20:17206751-17465222	#NAME?	1
XLOC_013551	XLOC_013551	SLC24A3	chr20:19193289-19703541	#NAME?	1
XLOC_013646	XLOC_013646	LBP	chr20:36974813-37005653	#NAME?	1
XLOC_013648	XLOC_013648	SNORA39	chr20:37075296-37079564	#NAME?	0.999791
XLOC_013674	XLOC_013674	WISP2	chr20:43343884-43356452	#NAME?	1
XLOC_013679	XLOC_013679	P13	chr20:43803539-43805185	#NAME?	1
XLOC_013686	XLOC_013686	WFDC10A	chr20:44236577-44259907	#NAME?	1
XLOC_013702	XLOC_013702	LOC100131496	chr20:45838380-45985474	#NAME?	1
XLOC_013728	XLOC_013728	CASS4	chr20:54987167-55034396	#NAME?	1
XLOC_013742	XLOC_013742	APCDD1L-AS1	chr20:57090434-57194948	#NAME?	1
XLOC_013751	XLOC_013751	CDH26	chr20:58533470-58588168	#NAME?	1
XLOC_013753	XLOC_013753	LOC284757	chr20:58713547-58897314	#NAME?	1
XLOC_013772	XLOC_013772	LOC63930	chr20:61640734-61716423	#NAME?	1
XLOC_013773	XLOC_013773	LOC100144597	chr20:61640734-61716423	#NAME?	1
XLOC_013798	XLOC_013798	MYT1	chr20:62795826-62873606	#NAME?	1
XLOC_013810	XLOC_013810	RSPO4	chr20:939095-982907	#NAME?	1
XLOC_013917	XLOC_013917	FOXS1	chr20:30432102-30433420	#NAME?	1
XLOC_013930	XLOC_013930	PXMP4	chr20:32290549-32308136	#NAME?	1
XLOC_013935	XLOC_013935	HMGB3P1	chr20:33421377-33422265	#NAME?	1
XLOC_013942	XLOC_013942	FAM83C	chr20:33873533-33880225	#NAME?	1
XLOC_013965	XLOC_013965	SNORA71B	chr20:37049238-37064018	#NAME?	0.999791
XLOC_013976	XLOC_013976	JPH2	chr20:42740336-42816218	#NAME?	1
XLOC_013986	XLOC_013986	WFDC5	chr20:43738092-43743813	#NAME?	1
XLOC_014020	XLOC_014020	PTGIS	chr20:48120410-48184707	#NAME?	1
XLOC_014041	XLOC_014041	GCNT7	chr20:55043646-55101208	#NAME?	1
XLOC_014042	XLOC_014042	BMP7	chr20:55743808-55841707	#NAME?	1
XLOC_014072	XLOC_014072	LINC00029	chr20:61640734-61716423	#NAME?	1
XLOC_014095	XLOC_014095	MIR3648	chr21:9825831-9826011	#NAME?	1
XLOC_014100	XLOC_014100	ABCC13	chr21:15646119-15673692	#NAME?	1
XLOC_014123	XLOC_014123	LINC00189	chr21:30565814-30660526	#NAME?	1
XLOC_014138	XLOC_014138	MRAP	chr21:33664123-33765312	#NAME?	1
XLOC_014169	XLOC_014169	DSCR8	chr21:39493544-39528605	#NAME?	1
XLOC_014171	XLOC_014171	KCNJ15	chr21:39601836-39673746	#NAME?	1
XLOC_014249	XLOC_014249	LINC00158	chr21:26758132-26804013	#NAME?	1
XLOC_014310	XLOC_014310	KCNE1	chr21:35818985-35884573	#NAME?	1
XLOC_014314	XLOC_014314	RUNX1-IT1	chr21:36160097-36421595	#NAME?	1
XLOC_014317	XLOC_014317	LOC100133286	chr21:37441939-37498938	#NAME?	1
XLOC_014339	XLOC_014339	LINC00479	chr21:43131679-43135935	#NAME?	1
XLOC_014376	XLOC_014376	LINC00163	chr21:46409778-46414001	#NAME?	1
XLOC_014380	XLOC_014380	COL18A1-AS2	chr21:46825096-46933634	#NAME?	1
XLOC_014425	XLOC_014425	SERPIND1	chr22:21061978-21213100	#NAME?	1
XLOC_014432	XLOC_014432	LOC400891	chr22:21400248-21418457	#NAME?	1
XLOC_014447	XLOC_014447	GGTLC2	chr22:22988781-22990368	#NAME?	1
XLOC_014521	XLOC_014521	RFPL3	chr22:32750871-32767063	#NAME?	1
XLOC_014541	XLOC_014541	CYTH4	chr22:37678494-37711389	#NAME?	1
XLOC_014619	XLOC_014619	RIBC2	chr22:45809571-45828302	#NAME?	1
XLOC_014645	XLOC_014645	ADM2	chr22:50919984-50924866	#NAME?	1
XLOC_014658	XLOC_014658	XKR3	chr22:17264305-17302584	#NAME?	1

XLOC_014668	XLOC_014668	MIR648	chr22:18270415-18507325	#NAME?	1
XLOC_014686	XLOC_014686	LOC284865	chr22:20186252-20192441	#NAME?	1
XLOC_014707	XLOC_014707	ZNF280A	chr22:22868060-22874613	#NAME?	1
XLOC_014709	XLOC_014709	POM121L1P	chr22:22974027-22987012	#NAME?	1
XLOC_014711	XLOC_014711	CESSAP1	chr22:23701792-23724313	#NAME?	1
XLOC_014725	XLOC_014725	GSTTP2	chr22:24385937-24401899	#NAME?	1
XLOC_014732	XLOC_014732	TMEM211	chr22:25331207-25335314	#NAME?	1
XLOC_014780	XLOC_014780	C22orf24	chr22:32329506-32353590	#NAME?	1
XLOC_014854	XLOC_014854	SHISA8	chr22:42305557-42310671	#NAME?	1
XLOC_014867	XLOC_014867	ATP5L2	chr22:43013845-43045405	#NAME?	1
XLOC_014896	XLOC_014896	C22orf34	chr22:50013289-50051190	#NAME?	1
XLOC_014899	XLOC_014899	IL17REL	chr22:50432941-50451055	#NAME?	1
XLOC_014927	XLOC_014927	LINC00312	chr3:8613467-8616354	#NAME?	1
XLOC_014948	XLOC_014948	SLC6A1	chr3:11034419-11080930	#NAME?	1
XLOC_014960	XLOC_014960	TPRXL	chr3:13978806-14107481	#NAME?	1
XLOC_014966	XLOC_014966	FGD5	chr3:14860468-14976072	#NAME?	1
XLOC_015148	XLOC_015148	ITIH3	chr3:52828783-52843025	#NAME?	1
XLOC_015191	XLOC_015191	FRG2C	chr3:75713480-75716368	#NAME?	1
XLOC_015201	XLOC_015201	EPHA3	chr3:89156673-89531284	#NAME?	1
XLOC_015294	XLOC_015294	PARP15	chr3:122296448-122355536	#NAME?	1
XLOC_015356	XLOC_015356	SLC35G2	chr3:136537860-136574734	#NAME?	1
XLOC_015363	XLOC_015363	ESYT3	chr3:138153414-138197256	#NAME?	1
XLOC_015452	XLOC_015452	LINC00578	chr3:177159708-177470492	#NAME?	1
XLOC_015495	XLOC_015495	AHSJ	chr3:186330849-186339107	#NAME?	1
XLOC_015504	XLOC_015504	ADIPOQ	chr3:186560462-186576252	#NAME?	1
XLOC_015514	XLOC_015514	CLDN16	chr3:190105660-190129932	#NAME?	1
XLOC_015550	XLOC_015550	EGOT	chr3:4535031-4889524	#NAME?	1
XLOC_015551	XLOC_015551	BHLHE40-AS1	chr3:4939913-4948186	#NAME?	1
XLOC_015553	XLOC_015553	LMCD1-AS1	chr3:8262833-8543344	#NAME?	1
XLOC_015610	XLOC_015610	THR8	chr3:24158644-24541502	#NAME?	1
XLOC_015630	XLOC_015630	EPM2AIP1	chr3:37027356-37034795	#NAME?	1
XLOC_015641	XLOC_015641	CX3CR1	chr3:39304984-39323226	#NAME?	1
XLOC_015660	XLOC_015660	LARS2-AS1	chr3:45430074-45590328	#NAME?	1
XLOC_015788	XLOC_015788	DNASE1L3	chr3:58178352-58196730	#NAME?	1
XLOC_015964	XLOC_015964	KY	chr3:134318764-134369864	#NAME?	1
XLOC_015968	XLOC_015968	A4GNT	chr3:137842559-137851229	#NAME?	1
XLOC_015974	XLOC_015974	PRR23A	chr3:138722803-138725110	#NAME?	1
XLOC_015991	XLOC_015991	PLSCR4	chr3:145910123-145968966	#NAME?	1
XLOC_016005	XLOC_016005	FAM194A	chr3:150377674-150421742	#NAME?	1
XLOC_016007	XLOC_016007	CLRN1	chr3:150643949-150797617	#NAME?	1
XLOC_016048	XLOC_016048	WDR49	chr3:167196472-167371289	#NAME?	1
XLOC_016058	XLOC_016058	SLC7A14	chr3:170177341-170303863	#NAME?	1
XLOC_016068	XLOC_016068	SPATA16	chr3:172607146-172859058	#NAME?	1
XLOC_016092	XLOC_016092	C3orf70	chr3:184795837-184870802	#NAME?	1
XLOC_016111	XLOC_016111	TPRG1-AS2	chr3:188889762-189041271	#NAME?	1
XLOC_016121	XLOC_016121	OPA1-AS1	chr3:193310932-193415600	#NAME?	1
XLOC_016178	XLOC_016178	LOC402160	chr4:2420700-2464690	#NAME?	1
XLOC_016193	XLOC_016193	NSG1	chr4:4387982-4543775	#NAME?	1
XLOC_016197	XLOC_016197	C4orf6	chr4:5526882-5529527	#NAME?	1
XLOC_016272	XLOC_016272	PCDH7	chr4:30722029-31148423	#NAME?	1
XLOC_016292	XLOC_016292	NSUN7	chr4:40751913-40812002	#NAME?	1
XLOC_016351	XLOC_016351	C4orf40	chr4:71019903-71032326	#NAME?	1
XLOC_016379	XLOC_016379	EREG	chr4:75230859-75254477	#NAME?	1
XLOC_016422	XLOC_016422	SPP1	chr4:88896801-88904563	#NAME?	1
XLOC_016499	XLOC_016499	SLC25A31	chr4:128651554-128695447	#NAME?	1
XLOC_016521	XLOC_016521	HHIP	chr4:145564067-145659881	#NAME?	1
XLOC_016525	XLOC_016525	C4orf51	chr4:146601355-146653948	#NAME?	1
XLOC_016535	XLOC_016535	PRSS48	chr4:152198324-152212605	#NAME?	1
XLOC_016563	XLOC_016563	LOC100505989	chr4:165675282-165724947	#NAME?	1
XLOC_016566	XLOC_016566	TRIM60	chr4:165953150-165962896	#NAME?	1
XLOC_016606	XLOC_016606	ZFP42	chr4:188916924-188926199	#NAME?	1
XLOC_016666	XLOC_016666	MIR548I2	chr4:9557788-9557937	#NAME?	1
XLOC_016716	XLOC_016716	LOC344967	chr4:40044536-40159872	#NAME?	1
XLOC_016721	XLOC_016721	BEND4	chr4:42112869-42154895	#NAME?	1
XLOC_016724	XLOC_016724	YIPF7	chr4:44624353-44653658	#NAME?	1
XLOC_016728	XLOC_016728	COX7B2	chr4:46736846-46911252	#NAME?	1
XLOC_016756	XLOC_016756	IGFBP7	chr4:57845108-58071465	#NAME?	1
XLOC_016763	XLOC_016763	TMPRSS11D	chr4:68686593-68749716	#NAME?	1
XLOC_016781	XLOC_016781	IGJ	chr4:71521257-71532348	#NAME?	1
XLOC_016807	XLOC_016807	SOWAHB	chr4:77816081-77819002	#NAME?	1
XLOC_016840	XLOC_016840	SPARCL1	chr4:88394487-88450655	#NAME?	1
XLOC_016850	XLOC_016850	STPG2	chr4:98480024-99064391	#NAME?	1
XLOC_016855	XLOC_016855	PCNAP1	chr4:100010007-100222513	#NAME?	1
XLOC_016895	XLOC_016895	NEUROG2	chr4:113434671-113437328	#NAME?	1
XLOC_016977	XLOC_016977	FAM198B	chr4:159045731-159094202	#NAME?	1
XLOC_016982	XLOC_016982	FSTL5	chr4:162305043-163085186	#NAME?	1
XLOC_016988	XLOC_016988	TRIM61	chr4:165875597-165898818	#NAME?	1
XLOC_016998	XLOC_016998	LOC100506085	chr4:170838911-170897053	#NAME?	1
XLOC_017005	XLOC_017005	HPGD	chr4:175411327-175444049	#NAME?	1

XLOC_017021	XLOC_017021	LOC728175	chr4:185262183-185275130	#NAME?	1
XLOC_017042	XLOC_017042	FRG2	chr4:190945522-190948412	#NAME?	1
XLOC_017078	XLOC_017078	ROPN1L	chr5:10441973-10465138	#NAME?	1
XLOC_017111	XLOC_017111	OSMR	chr5:38845959-38935743	#NAME?	1
XLOC_017121	XLOC_017121	NIM1	chr5:43192169-43280952	#NAME?	1
XLOC_017129	XLOC_017129	FST	chr5:52776263-52782304	#NAME?	1
XLOC_017144	XLOC_017144	PART1	chr5:58264865-59843484	#NAME?	1
XLOC_017176	XLOC_017176	PMCHL2	chr5:70671611-70681820	#NAME?	1
XLOC_017198	XLOC_017198	NCRUPAR	chr5:76008227-76008713	#NAME?	1
XLOC_017264	XLOC_017264	SNORA13	chr5:111496222-111498198	#NAME?	1
XLOC_017322	XLOC_017322	MIR3661	chr5:133532147-133561950	#NAME?	1
XLOC_017414	XLOC_017414	AFAP1L1	chr5:148651400-148721367	#NAME?	1
XLOC_017429	XLOC_017429	IRGM	chr5:150226084-150228231	#NAME?	1
XLOC_017434	XLOC_017434	GRIA1	chr5:152870083-153193429	#NAME?	1
XLOC_017481	XLOC_017481	EFCAB9	chr5:171621175-171630458	#NAME?	1
XLOC_017492	XLOC_017492	HMP19	chr5:173472606-173536182	#NAME?	1
XLOC_017496	XLOC_017496	HRH2	chr5:175085039-175113245	#NAME?	1
XLOC_017540	XLOC_017540	LOC100132062,LOC100133331	chr5:180750506-180755196	#NAME?	1
XLOC_017562	XLOC_017562	IRX4	chr5:1877540-1882880	#NAME?	1
XLOC_017573	XLOC_017573	LOC729506	chr5:8333595-8457677	#NAME?	1
XLOC_017608	XLOC_017608	UGT3A1	chr5:35953190-36001130	#NAME?	1
XLOC_017613	XLOC_017613	RANBP3L	chr5:36249103-36302011	#NAME?	1
XLOC_017632	XLOC_017632	PLCXD3	chr5:41307047-41510730	#NAME?	1
XLOC_017634	XLOC_017634	SEPP1	chr5:42756919-42812024	#NAME?	1
XLOC_017643	XLOC_017643	LOC100652772	chr5:43573286-43705668	#NAME?	1
XLOC_017690	XLOC_017690	LOC647859	chr5:70370029-70388897	#NAME?	1
XLOC_017705	XLOC_017705	SNORA47	chr5:76372531-76444176	#NAME?	0.999791
XLOC_017722	XLOC_017722	ACOT12	chr5:80256507-81047072	#NAME?	1
XLOC_017732	XLOC_017732	LINC00461,MIR9-2	chr5:87836596-87980620	#NAME?	1
XLOC_017741	XLOC_017741	POU5F2	chr5:92919042-93447404	#NAME?	1
XLOC_017754	XLOC_017754	LOC100133050	chr5:99715208-99723958	#NAME?	1
XLOC_017787	XLOC_017787	C5orf63	chr5:126378249-126409184	#NAME?	1
XLOC_017822	XLOC_017822	LOC340074	chr5:134984371-134989624	#NAME?	1
XLOC_017825	XLOC_017825	VTRNA2-1	chr5:135416186-135416286	#NAME?	1
XLOC_017830	XLOC_017830	KLHL3	chr5:136953188-137071779	#NAME?	1
XLOC_017845	XLOC_017845	MZB1	chr5:138723256-138725605	#NAME?	1
XLOC_017851	XLOC_017851	NRG2	chr5:139226363-139422884	#NAME?	1
XLOC_017856	XLOC_017856	CD14	chr5:140011312-140013286	#NAME?	1
XLOC_017923	XLOC_017923	FNDC9	chr5:156693090-156822606	#NAME?	1
XLOC_017974	XLOC_017974	PFN3	chr5:176827107-176827637	#NAME?	1
XLOC_018042	XLOC_018042	BMP6	chr6:7727010-8102828	#NAME?	1
XLOC_018053	XLOC_018053	ELOVL2-AS1	chr6:10980992-11079377	#NAME?	1
XLOC_018092	XLOC_018092	HIST1H3A	chr6:26020717-26021186	#NAME?	0.155119
XLOC_018167	XLOC_018167	TRIM15	chr6:30130982-30140473	#NAME?	1
XLOC_018196	XLOC_018196	TNF	chr6:31543343-31546112	#NAME?	1
XLOC_018214	XLOC_018214	CFB	chr6:31913720-31919861	#NAME?	1
XLOC_018283	XLOC_018283	TSPO2	chr6:41010236-41012076	#NAME?	1
XLOC_018327	XLOC_018327	SPATS1	chr6:44310396-44344904	#NAME?	1
XLOC_018377	XLOC_018377	KCNQ5	chr6:73331570-73908573	#NAME?	1
XLOC_018459	XLOC_018459	FAM26F	chr6:116782532-116784934	#NAME?	1
XLOC_018460	XLOC_018460	FAM26E	chr6:116817650-116880031	#NAME?	1
XLOC_018474	XLOC_018474	GJA1	chr6:121756744-121770873	#NAME?	1
XLOC_018477	XLOC_018477	FABP7	chr6:123100645-123105218	#NAME?	1
XLOC_018495	XLOC_018495	SMLR1	chr6:131148544-131158276	#NAME?	1
XLOC_018518	XLOC_018518	SLC35D3	chr6:137243401-137246776	#NAME?	1
XLOC_018556	XLOC_018556	PLEKHG1	chr6:150920998-151164799	#NAME?	1
XLOC_018563	XLOC_018563	VIP	chr6:153071931-153080902	#NAME?	1
XLOC_018588	XLOC_018588	SLC22A3	chr6:160769404-160873611	#NAME?	1
XLOC_018622	XLOC_018622	LOC100507194	chr6:3183051-3196001	#NAME?	1
XLOC_018626	XLOC_018626	FAM217A	chr6:4068592-4135831	#NAME?	1
XLOC_018643	XLOC_018643	GCM2	chr6:10873455-10882098	#NAME?	1
XLOC_018703	XLOC_018703	HIST1H1B	chr6:27834569-27835359	#NAME?	1
XLOC_018706	XLOC_018706	HIST1H3J	chr6:27858092-27858570	#NAME?	1
XLOC_018753	XLOC_018753	PSORS1C3	chr6:31141511-31145676	#NAME?	1
XLOC_018760	XLOC_018760	NCR3	chr6:31553955-31560762	#NAME?	1
XLOC_018834	XLOC_018834	CLPS	chr6:35762758-35765121	#NAME?	1
XLOC_018877	XLOC_018877	PRPH2	chr6:42664332-42690358	#NAME?	1
XLOC_018900	XLOC_018900	CLIC5	chr6:458666189-46048085	#NAME?	1
XLOC_018906	XLOC_018906	GPR110	chr6:46967812-47010082	#NAME?	1
XLOC_018932	XLOC_018932	ELOVL5	chr6:53132195-53213977	#NAME?	1
XLOC_018965	XLOC_018965	IMPJ1	chr6:76631061-76782335	#NAME?	1
XLOC_018983	XLOC_018983	SNORD50A	chr6:86386724-86388451	#NAME?	1
XLOC_018986	XLOC_018986	GJB7	chr6:87992696-88052043	#NAME?	1
XLOC_018993	XLOC_018993	GABRR2	chr6:89966839-90025018	#NAME?	1
XLOC_019035	XLOC_019035	METTL24	chr6:110567148-110679475	#NAME?	1
XLOC_019118	XLOC_019118	NMBR	chr6:142396744-142409936	#NAME?	1
XLOC_019130	XLOC_019130	LOC729176	chr6:146920135-147136597	#NAME?	1
XLOC_019182	XLOC_019182	PRR18	chr6:166719167-166721871	#NAME?	1
XLOC_020386	XLOC_020386	ABCBS5	chr7:20655244-20796637	#NAME?	1

XLOC_020390	XLOC_020390	LOC100506178	chr7:22602955-22613617	#NAME?	1
XLOC_020475	XLOC_020475	ADCY1	chr7:45614124-45762714	#NAME?	1
XLOC_020478	XLOC_020478	LINC00525	chr7:47801073-47806370	#NAME?	1
XLOC_020483	XLOC_020483	CDC14C	chr7:48964156-48967049	#NAME?	1
XLOC_020497	XLOC_020497	SNORA15	chr7:56119377-56131682	#NAME?	1
XLOC_020536	XLOC_020536	NCF1B	chr7:72634673-72649979	#NAME?	1
XLOC_020544	XLOC_020544	WBSR28	chr7:73275488-73280223	#NAME?	1
XLOC_020548	XLOC_020548	MIR590	chr7:73588705-73611429	#NAME?	1
XLOC_020585	XLOC_020585	CD36	chr7:80231503-80308593	#NAME?	1
XLOC_020636	XLOC_020636	AZGP1P1	chr7:99578384-99581860	#NAME?	1
XLOC_020663	XLOC_020663	MUC17	chr7:100663363-100702140	#NAME?	1
XLOC_020669	XLOC_020669	COL26A1	chr7:101006121-101202304	#NAME?	1
XLOC_020702	XLOC_020702	FOXP2	chr7:113726364-114333827	#NAME?	1
XLOC_020712	XLOC_020712	CFTR	chr7:117120016-117308718	#NAME?	1
XLOC_020721	XLOC_020721	ASB15	chr7:123249111-123277932	#NAME?	1
XLOC_020737	XLOC_020737	FAM71F1	chr7:128355442-128371797	#NAME?	1
XLOC_020753	XLOC_020753	C7orf45	chr7:129847703-129856684	#NAME?	1
XLOC_020779	XLOC_020779	TMEM213	chr7:138391038-138490769	#NAME?	1
XLOC_020800	XLOC_020800	PRSS1	chr7:142457318-142460927	#NAME?	1
XLOC_020856	XLOC_020856	GIMAP2	chr7:150382793-150390728	#NAME?	1
XLOC_020857	XLOC_020857	GIMAP1,GIMAP1-GIMAP5,GIMAF	chr7:150413644-150440737	#NAME?	1
XLOC_020859	XLOC_020859	ABP1	chr7:150549564-150558379	#NAME?	1
XLOC_020912	XLOC_020912	MMD2	chr7:4931875-4998844	#NAME?	1
XLOC_020913	XLOC_020913	ZNF890P	chr7:5160940-5184177	#NAME?	1
XLOC_020938	XLOC_020938	DGKB	chr7:14184673-14881075	#NAME?	1
XLOC_020942	XLOC_020942	SOSTDC1	chr7:16501105-16505474	#NAME?	1
XLOC_020972	XLOC_020972	KIAA0087	chr7:26572739-26578444	#NAME?	1
XLOC_020982	XLOC_020982	MIR196B	chr7:27202056-27219880	#NAME?	1
XLOC_021047	XLOC_021047	SNORA9	chr7:45022626-45026259	#NAME?	0.999791
XLOC_021050	XLOC_021050	SNORA5A	chr7:45139698-45151346	#NAME?	1
XLOC_021051	XLOC_021051	SNORA5C	chr7:45139698-45151346	#NAME?	0.999791
XLOC_021052	XLOC_021052	SNORA5B	chr7:45139698-45151346	#NAME?	0.999791
XLOC_021055	XLOC_021055	TNS3	chr7:47314751-47621742	#NAME?	1
XLOC_021100	XLOC_021100	GTF2IRD2P1	chr7:72656901-72685658	#NAME?	1
XLOC_021117	XLOC_021117	LOC100093631	chr7:74601103-74653459	#NAME?	1
XLOC_021169	XLOC_021169	SGCE	chr7:94214535-94285521	#NAME?	1
XLOC_021186	XLOC_021186	TMEM130	chr7:98444110-98467673	#NAME?	1
XLOC_021194	XLOC_021194	CYP3A7,CYP3A7-CYP3AP1	chr7:99282301-99332819	#NAME?	1
XLOC_021196	XLOC_021196	OR2AE1	chr7:99473684-99474656	#NAME?	1
XLOC_021202	XLOC_021202	MIR25	chr7:99690403-99723128	#NAME?	1
XLOC_021219	XLOC_021219	ACTL6B	chr7:100240725-100254084	#NAME?	1
XLOC_021231	XLOC_021231	MYL10	chr7:101256604-101272576	#NAME?	1
XLOC_021243	XLOC_021243	SLC26A5	chr7:102987970-103086624	#NAME?	1
XLOC_021258	XLOC_021258	SLC26A4-AS1	chr7:107296960-107358252	#NAME?	1
XLOC_021259	XLOC_021259	SLC26A3	chr7:107405911-107443678	#NAME?	1
XLOC_021278	XLOC_021278	ASZ1	chr7:117003275-117067577	#NAME?	1
XLOC_021366	XLOC_021366	OR6W1P	chr7:142759380-142760882	#NAME?	1
XLOC_021375	XLOC_021375	OR2A20P,OR2A9P	chr7:143947563-143948696	#NAME?	1
XLOC_021390	XLOC_021390	ATP6V0E2-AS1	chr7:149564782-149577787	#NAME?	1
XLOC_021405	XLOC_021405	CRYGN	chr7:151127055-151137099	#NAME?	1
XLOC_021413	XLOC_021413	CNPY1	chr7:155293952-155326539	#NAME?	1
XLOC_021424	XLOC_021424	VIPR2	chr7:158820865-158937649	#NAME?	1
XLOC_021460	XLOC_021460	PRSS55	chr8:10383055-10411676	#NAME?	1
XLOC_021470	XLOC_021470	DEFB135	chr8:11839829-11842099	#NAME?	1
XLOC_021539	XLOC_021539	SMIM18	chr8:30436030-30515738	#NAME?	1
XLOC_021600	XLOC_021600	FAM110B	chr8:58907112-59062277	#NAME?	1
XLOC_021625	XLOC_021625	C8orf34	chr8:69215702-69731258	#NAME?	1
XLOC_021647	XLOC_021647	STMN2	chr8:80523048-80578410	#NAME?	1
XLOC_021704	XLOC_021704	BAALC	chr8:104145190-104242533	#NAME?	1
XLOC_021707	XLOC_021707	CTHRC1	chr8:104383742-104395232	#NAME?	1
XLOC_021709	XLOC_021709	RIMS2	chr8:104512975-105266656	#NAME?	1
XLOC_021757	XLOC_021757	TG	chr8:133879204-134147143	#NAME?	1
XLOC_021797	XLOC_021797	FAM203A	chr8:145437879-145440828	#NAME?	1
XLOC_021823	XLOC_021823	DEFA6	chr8:6782215-6783598	#NAME?	1
XLOC_021834	XLOC_021834	DEFA5	chr8:6912828-6914259	#NAME?	1
XLOC_021850	XLOC_021850	USP17L3	chr8:7812534-7866277	#NAME?	1
XLOC_021866	XLOC_021866	DEFB136	chr8:11831445-11832108	#NAME?	1
XLOC_021899	XLOC_021899	DOK2	chr8:21766383-21771205	#NAME?	1
XLOC_021905	XLOC_021905	MIR320A	chr8:22102474-22102556	#NAME?	1
XLOC_021924	XLOC_021924	STMN4	chr8:27093813-27115903	#NAME?	1
XLOC_021931	XLOC_021931	SCARA5	chr8:27727398-27850369	#NAME?	1
XLOC_021950	XLOC_021950	PURG	chr8:30853320-31031277	#NAME?	1
XLOC_021973	XLOC_021973	ANK1	chr8:41510743-41754280	#NAME?	1
XLOC_021977	XLOC_021977	DKK4	chr8:42231585-42234674	#NAME?	1
XLOC_021986	XLOC_021986	PXDNL	chr8:52232136-52722005	#NAME?	1
XLOC_021988	XLOC_021988	ST18	chr8:53023391-53322439	#NAME?	1
XLOC_022034	XLOC_022034	PRDM14	chr8:70963885-70983562	#NAME?	1
XLOC_022080	XLOC_022080	DCAF4L2	chr8:88882970-88886296	#NAME?	1
XLOC_022105	XLOC_022105	GDF6	chr8:97154557-97173020	#NAME?	1

XLOC_022130	XLOC_022130	C8orf56	chr8:104145190-104242533	#NAME?	1
XLOC_022131	XLOC_022131	LOC100499183	chr8:104145190-104242533	#NAME?	1
XLOC_022155	XLOC_022155	SNTB1	chr8:121547984-121824309	#NAME?	1
XLOC_022163	XLOC_022163	KLHL38	chr8:124657914-124665190	#NAME?	1
XLOC_022208	XLOC_022208	LYNX1	chr8:143845755-143859640	#NAME?	1
XLOC_022257	XLOC_022257	DDX11L5	chr9:11986-29739	#NAME?	1
XLOC_022298	XLOC_022298	IFNA8	chr9:21409145-21410184	#NAME?	1
XLOC_022304	XLOC_022304	FLJ35282	chr9:22646198-22824212	#NAME?	1
XLOC_022327	XLOC_022327	KIAA1045	chr9:34958191-34982541	#NAME?	1
XLOC_022342	XLOC_022342	HRCT1	chr9:35906188-35907138	#NAME?	1
XLOC_022371	XLOC_022371	FAM27C	chr9:44990235-44991492	#NAME?	1
XLOC_022379	XLOC_022379	LOC100133920	chr9:69651360-69664949	#NAME?	1
XLOC_022382	XLOC_022382	PGM5	chr9:70970108-71145977	#NAME?	1
XLOC_022392	XLOC_022392	GDA	chr9:74729510-74867140	#NAME?	1
XLOC_022412	XLOC_022412	NTRK2	chr9:87283465-87638505	#NAME?	1
XLOC_022425	XLOC_022425	C9orf47,S1PR3	chr9:91605777-91620069	#NAME?	1
XLOC_022499	XLOC_022499	ACTL7A	chr9:111624602-111626035	#NAME?	1
XLOC_022521	XLOC_022521	ORM2	chr9:117092068-117095536	#NAME?	1
XLOC_022544	XLOC_022544	OR1L6	chr9:125512126-125513062	#NAME?	1
XLOC_022629	XLOC_022629	GF11B	chr9:135854097-135867084	#NAME?	1
XLOC_022658	XLOC_022658	LOC100130954	chr9:138466770-138478958	#NAME?	1
XLOC_022689	XLOC_022689	RNF224	chr9:140122017-140124090	#NAME?	1
XLOC_022701	XLOC_022701	CACNA1B	chr9:140772240-141019076	#NAME?	1
XLOC_022702	XLOC_022702	TUBBP5	chr9:141044564-141071885	#NAME?	1
XLOC_022726	XLOC_022726	FLJ41200	chr9:13406378-13431328	#NAME?	1
XLOC_022735	XLOC_022735	FAM154A	chr9:18927890-19033256	#NAME?	1
XLOC_022740	XLOC_022740	SLC24A2	chr9:19507449-19787017	#NAME?	1
XLOC_022752	XLOC_022752	IFNA17	chr9:21227241-21228221	#NAME?	1
XLOC_022800	XLOC_022800	CNTFR	chr9:34551429-34590138	#NAME?	1
XLOC_022841	XLOC_022841	IGFBPL1	chr9:38406524-38424444	#NAME?	1
XLOC_022851	XLOC_022851	LOC286297	chr9:42844369-42893137	#NAME?	1
XLOC_022872	XLOC_022872	BANCR	chr9:71911596-71921972	#NAME?	1
XLOC_022873	XLOC_022873	APBA1	chr9:72042448-72287275	#NAME?	1
XLOC_022885	XLOC_022885	ALDH1A1	chr9:75515577-75568233	#NAME?	1
XLOC_022965	XLOC_022965	LOC340508	chr9:99837952-99844227	#NAME?	1
XLOC_023031	XLOC_023031	TNFSF15	chr9:117546914-117568408	#NAME?	1
XLOC_023077	XLOC_023077	ANGPTL2	chr9:129677052-129985445	#NAME?	1
XLOC_023111	XLOC_023111	C9orf50	chr9:132374503-132383055	#NAME?	1
XLOC_023246	XLOC_023246	CXorf28	chrX:3189860-3202694	#NAME?	1
XLOC_023249	XLOC_023249	VX	chrX:7810302-7812184	#NAME?	1
XLOC_023271	XLOC_023271	GLRA2	chrX:14547419-14749933	#NAME?	1
XLOC_023307	XLOC_023307	MAGEB6	chrX:26210556-26213763	#NAME?	1
XLOC_023319	XLOC_023319	CXorf22	chrX:35937850-36008269	#NAME?	1
XLOC_023320	XLOC_023320	CHDC2	chrX:36065052-36163187	#NAME?	1
XLOC_023337	XLOC_023337	GPR34	chrX:41374188-41782287	#NAME?	1
XLOC_023392	XLOC_023392	PAGE4	chrX:49593905-49598570	#NAME?	1
XLOC_023428	XLOC_023428	PAGE2	chrX:55115496-55119260	#NAME?	1
XLOC_023434	XLOC_023434	KLF8	chrX:56258821-56314322	#NAME?	1
XLOC_023442	XLOC_023442	HEPH	chrX:65382432-65487230	#NAME?	1
XLOC_023443	XLOC_023443	AR	chrX:66763873-66950461	#NAME?	1
XLOC_023514	XLOC_023514	ARL13A	chrX:100224696-100245820	#NAME?	1
XLOC_023561	XLOC_023561	RGAG1	chrX:109437413-109699562	#NAME?	1
XLOC_023579	XLOC_023579	AGTR2	chrX:115301957-115306225	#NAME?	1
XLOC_023585	XLOC_023585	ZCCHC12	chrX:117957786-117960931	#NAME?	1
XLOC_023668	XLOC_023668	MAMLD1	chrX:149531550-149682448	#NAME?	1
XLOC_023683	XLOC_023683	CSAG1	chrX:151903227-151909518	#NAME?	1
XLOC_023691	XLOC_023691	BGN	chrX:152713122-152775004	#NAME?	1
XLOC_023692	XLOC_023692	ATP2B3	chrX:152801579-152848387	#NAME?	1
XLOC_023779	XLOC_023779	GPR64	chrX:19007424-19140755	#NAME?	1
XLOC_023796	XLOC_023796	ZFX-AS1	chrX:24164341-24234372	#NAME?	1
XLOC_023799	XLOC_023799	ARX	chrX:25021812-25034065	#NAME?	1
XLOC_023809	XLOC_023809	FTH1P18	chrX:37060954-37061867	#NAME?	1
XLOC_023824	XLOC_023824	CXorf36	chrX:45007617-45060146	#NAME?	1
XLOC_023843	XLOC_023843	PCSK1N	chrX:48689503-48694036	#NAME?	1
XLOC_023890	XLOC_023890	ALAS2	chrX:55035487-55057497	#NAME?	1
XLOC_023898	XLOC_023898	SPIN2A	chrX:57162082-57164058	#NAME?	1
XLOC_023914	XLOC_023914	AWAT2	chrX:69260391-69269788	#NAME?	1
XLOC_023915	XLOC_023915	P2RY4	chrX:69478015-69479654	#NAME?	1
XLOC_023921	XLOC_023921	IL2RG	chrX:70327253-70331481	#NAME?	1
XLOC_023966	XLOC_023966	POF1B	chrX:84532394-84634748	#NAME?	1
XLOC_023985	XLOC_023985	TCEAL6	chrX:101394932-101397388	#NAME?	1
XLOC_024010	XLOC_024010	TEX13B	chrX:107224093-107225600	#NAME?	1
XLOC_024020	XLOC_024020	CAPN6	chrX:110488326-110513774	#NAME?	1
XLOC_024021	XLOC_024021	DCX	chrX:110537006-110664835	#NAME?	1
XLOC_024102	XLOC_024102	LINC00633	chrX:134252881-134254405	#NAME?	1
XLOC_024106	XLOC_024106	CT45A5	chrX:134945650-134953994	#NAME?	1
XLOC_024150	XLOC_024150	FMR1-AS1	chrX:146990948-147032647	#NAME?	1
XLOC_024166	XLOC_024166	MAGEA12	chrX:151895977-151903184	#NAME?	1
XLOC_024202	XLOC_024202	SMIM9	chrX:154051622-154062937	#NAME?	1

XLOC_024304

XLOC_024304

GYG2P1

chrY:14517914-14533389

#NAME?

1

Normalized fragments per kilobase per million reads (FPKM)

gene	c0_0	c0_1	c0_2	t0_0	t0_1	
RPS17L		0	553.426	0.0966119	0.2634	0
ENG		2.08032	0.689186	2.4932	0.174328	0.394156
IL13RA2		144.392	57.493	168.162	28.2242	19.7251
NCAPD3		5.28476	4.853	5.34099	1.47366	1.56521
HIST1H1C		124.861	103.855	136.787	36.472	50.2223
HCLS1		1.08439	0.742599	1.15658	0.389646	0.41308
JAM3		0.592103	0.74833	0.770137	0.177743	0.497246
HIST2H2BE		5.00238	5.21079	6.39497	2.09197	2.52241
ICAM2		9.14458	7.58692	8.7894	2.94636	5.42334
HOXB13		2.2579	1.54951	2.0147	0.716678	1.3809
ADM		220.538	44.0281	79.3371	81.5133	35.8519
IFI27		43.843	36.6253	44.2833	18.047	37.7528
TFRC		24.9029	10.7693	7.88569	9.17165	10.044
AKAP12		2.71704	1.10073	2.09974	1.36187	1.21079
CA9		153.72	393.434	174.128	58.8318	277.306
CALD1		40.1839	23.3042	33.4379	15.6324	24.6177
STK39		10.5629	8.92105	9.71316	6.19864	5.74187
RGS4		11.2933	22.1998	11.8276	7.67384	13.4445
HIST1H2BK		49.6779	55.3111	65.6457	38.4811	31.2116
C8orf58		53.2413	46.4574	27.4667	23.6555	34.7222
FAM47E,FAM47E-STBD1,STBD1		14.3515	10.81	7.84494	6.30467	9.49238
IFFO2		12.8397	10.4899	7.34586	6.43067	8.45183
SRFBP1		19.2674	14.0796	23.0397	30.417	18.9558
AASDHPPT		8.27286	9.36878	10.5012	14.1505	13.2317
CMBL		10.458	14.1171	9.93522	13.977	20.6485
KLF2		18.9886	23.7777	51.3973	51.5915	33.5114
WDR35		1.67335	1.59056	1.91872	2.96259	2.34054
VPS4B		6.09051	5.33821	6.1865	9.41717	8.57701
ZBTB38		1.69071	1.62176	1.78571	2.58015	2.36103
HMOX1		40.7967	54.8345	51.1897	61.976	56.5417
RMDN1		7.79984	8.32114	9.53608	13.7778	13.5755
WARS		24.2358	18.9386	73.7792	86.2851	23.5427
TFPI		14.2274	21.5676	11.9242	26.5852	23.7062
GARS		39.7109	32.7711	109.377	118.501	43.9528
ASNS		51.1112	32.7021	202.968	217.594	40.296
PIP5KL1		15.3062	13.9256	16.1068	26.895	15.2961
MOK		6.64206	6.09179	7.78129	12.839	9.52648
NGFRAP1		88.1829	98.1403	93.4086	149.828	164.368
ALOXE3		4.84584	3.95955	5.72147	11.0757	5.2773
FAM86B1		2.04655	3.33809	3.87768	5.38123	4.89392
LAMA1		10.5349	6.55225	9.13032	19.3967	8.73653
HINT2		11.4066	16.2656	18.751	32.3824	22.9772
STARD3NL		10.3699	10.1689	12.5525	18.0164	22.1787
S100A2		571.292	629.543	512.704	1126.96	704.278
CUBN		0.453107	0.600128	0.437888	1.03161	0.744935
SNRPD3		46.5548	37.9301	42.2871	88.5532	70.2714
GFPT2		11.0791	10.0355	27.0457	36.0308	17.5033
ZNF114		3.82196	4.38488	3.74538	8.49315	4.9579
SGIP1		0.425352	0.584569	0.505688	1.09143	0.759927
NPTXR		0.209923	0.26288	0.242957	0.535384	0.468755
KCNN4		7.46109	12.3974	6.20615	19.1677	18.0144
TRPV2		0.1796	0.653199	0.231387	1.15616	0.503099
RAP2B		5.92927	5.93731	5.59053	19.6613	6.64518
RPS17		0	551.048	0	0	0
NBPF11,NBPF24		0	0.0281715	0.0982892	0	0
MTUS1		0.39029	0.106004	0.321279	0.0405304	0
KCNJ1		0.112895	0.0125448	0.0436942	0	0
EFHD1		0.190459	0.293086	0.0234838	0	0.0495562
SIGLEC1		0.0544025	0	0	0	0.00608335
C20orf144		0.642492	0.164283	0.456009	0	0.148624
MASP2		0.178876	0.310643	0.146656	0	0.0563999
SYNDIG1L		0.13647	0.117071	0.0602191	0	0.0154505
CGNL1		0.0262567	0.00893974	0.0480863	0	0.00416732
BEX4		0.159747	0.033288	0.143968	0	0
CXorf30		0.0342028	0.0404712	0.0261144	0	0
LINC00649		0.0187249	0.0665118	0.0116907	0	0.0125408
LINC00222		0.041473	0.0779812	0.0515813	0.0230326	0
SCN8A		0	0.0145365	0.00509925	0	0.00271205
C11orf45		0.102841	0.122059	0.143105	0	0.0388616
RBM47		0.00597797	0.0525719	0.00760262	0.0100284	0
KCNV2		0.0599086	0.133015	0.0238484	0.0330228	0
NXNL2		0.0668767	0.151345	0.0273618	0	0
C8orf12,TDH		0.068668	0	0.111259	0	0.0289957
USHBP1		0.262084	0.0401182	0.275775	0.05124	0.0181721
LOC100129924		0	0.0460038	0.282163	0.0551456	0

EDA2R	0	0.0301527	0.0436722	0	0
DLEC1	0.0204518	0.0423384	0.0126333	0	0.0129638
GRIA3	0	0.00644377	0.0372532	0.0074718	0
C17orf72	0.0345689	0.123404	0.0418485	0	0.0141858
FBXO17	0.0607174	0.0619938	0.018537	0.0253577	0
PTPN6	0.0289168	0.0200235	0.0517052	0	0.0184859
SULT2B1	0.109102	0.289447	0.086276	0	0.0892152
GLIS1	0	0.0880186	0.0199853	0	0.0198874
GRIA4	0.0188147	0	0.00971232	0	0.00527534
BCL2L14	0.0342027	0.0518187	0	0	0.0161192
SLC2A1-AS1	0.0813189	0.301726	0.0333385	0.0449971	0.03532
PRF1	0.073098	0.0393178	0.141429	0.0490241	0
TCP11	0.123201	0.0426556	0.0376752	0	0.0396881
NOSTRIN	0.034343	0.0485394	0.0142134	0.0189211	0
C10orf131	0.0565527	0.0553132	0.0240247	0	0.026706
RIMS4	0.0240718	0	0.0147331	0	0.00763145
CD96	0.0288689	0.0208345	0.0242759	0.00799915	0.00649985
CLDN11	0.0308772	0.0429889	0	0	0.0145556
TRPV6	0	0.0152428	0.054688	0	0.0139276
KCNA6	0.0209345	0	0.0128927	0	0.00682474
BARHL1	0.0711838	0.140373	0.0839707	0.0594436	0
RRAD	0.630102	0.763835	0.746633	0.196049	0.184225
RAET1L	0.0720052	0.146911	0	0	0.0459507
ZAR1L	0.0357599	0	0.174154	0	0.0445448
ZNF772	0.00851397	0.0189755	0	0	0.00597465
WFDC13	0.0358943	0.0509042	0.0224503	0	0.0237875
TIAM2	0	0.0131678	0.057596	0.0153858	0
SNX31	0.00987926	0.0142253	0.0371326	0	0.0134237
ANKRD30BL	0.0409462	0.0588359	0.0258525	0	0.0276927
KLHL32	0.0242878	0.00890377	0.053978	0	0.00836528
CXCR6	0.0259983	0.0184118	0.0323308	0	0.0171127
POBEC2	0.0316466	0.0219699	0.0387568	0	0.0206064
ZNF549	0.0162479	0.046722	0.0204399	0.00903023	0
FLNC	0.038107	0.0902257	0.0501668	0.0063595	0.0273481
NAALADL1	0.0526385	0.123557	0.0630533	0.0219491	0.032323
CYP2C18	0.0284832	0.0407182	0	0.0157735	0
VTN	0	0.111842	0	0	0.0260638
CPNE4	0	0.0664194	0	0.015607	0
LOC91450	0.0817385	0.109266	0.0991738	0.0682999	0
C1orf204,VSIG8	0.0648606	0.135485	0.13353	0.0179951	0.0420083
NLRP4	0.0071396	0.0198903	0.0613326	0.0118282	0.00930767
LINC00310	0.040976	0.190989	0.0816772	0.0752266	0
ZNF569	0.00950657	0.0280101	0.0243343	0	0.00668233
FUT5	0.0411001	0.13757	0.0245884	0	0.0502423
GIMAP6	0	0.0201881	0.0177686	0	0.0094115
VSIG2	0	0.0402158	0.107948	0	0.0368813
LOC100507346	0.0634935	0.0355947	0.0314058	0	0.0330469
CCDC79	0	0.0240754	0.020981	0	0.0114549
CSNK1G2-AS1	0.0658661	0.0849509	0	0	0.0389697
ABRA	0.00780255	0.0225814	0.00989497	0	0.0106311
GAS6-AS1	0.19102	0.187563	0.0565194	0	0.115089
TMEM150C	0.0396141	0	0.0496295	0	0
SCUBE1	0.0201246	0.0131984	0.0119908	0	0.0120722
TAS2R3	0.120672	0	0.030261	0.040305	0
RARRES3	0.0822297	0.111717	0	0	0.0522615
C10orf82	0.158474	0.0429838	0.154314	0	0.0406066
LOC100506136	0.0280675	0.0811409	0.0705803	0.0232366	0
FRMPD1	0.02201	0.0300615	0.00673503	0.00913133	0.00693344
PEX5L	0.00957107	0.0177589	0.00305385	0.00400457	0
FAM228A	0.031266	0.109188	0.23145	0	0.102422
DPYD	0.0171073	0.00712881	0	0	0.00670079
NFE2	0.0404066	0	0.0487222	0	0.0247637
SEPT14	0.0109876	0.00812969	0.0139814	0.00915104	0
LOC100505716	0.0429639	0.0615879	0.0811166	0.017986	0.0144024
LOC284276	0.026778	0.0188715	0.016567	0	0.0173867
CPA4	0.0287324	0.0409862	0.0357394	0	0.0127191
SLC10A4	0.0157484	0	0.059181	0	0.0213652
MX2	0.0376412	0.0519467	0.02303	0.0155677	0
KCNQ3	0.00590125	0.00285632	0.0149434	0.00327711	0
LOC100130075	0.0942959	0.0430391	0	0	0.0397322
C3	0.046299	0.0463334	0	0.00958434	0.00709856
MESP2	0.205545	0.0910162	0.0409081	0.0571008	0.041792
GPR143	0.0423076	0.0585078	0.0258644	0	0
ATP2B2	0.00983458	0.00460266	0	0	0.00427469
ADRA1A	0.0565544	0	0.0227865	0	0.0235583
TMEM240	0.0957256	0.0628886	0.113717	0	0
IDO1	0.0757553	0.0357852	0.0316442	0.0210424	0
GJB3	0	0.07729	0	0	0.0236687
RRH	0.0453693	0.0664155	0.15435	0	0

LOC100506895	0.0247125	0	0.0102162	0	0.0107794
TEX29	0.65519	1.1134	0.329021	0.180363	0.274943
IGSF22	0.0309684	0.0743053	0.0224122	0.0102715	0.00758414
LOC100144604	0	0.0556456	0.0164638	0.0222047	0
NR0B2	0.0912722	0.0822319	0	0	0
GP5	0	0.0464012	0	0	0.0145165
HOOK1	0.00671937	0	0.00861839	0	0.00480244
OVOL1	0	0.0314599	0.0141432	0	0.0144745
LINC00102	0.016856	0.0709979	0	0.0277783	0
ATOH8	0.0160589	0.0517065	0.0263508	0	0.0204398
GPM6A	0.0337215	0	0.0109389	0.0141948	0
ZNF750	0	0.0277959	0.0123585	0	0.0129232
HIST1H4D	0.805666	0.66398	0.196914	0.540129	0
LOC148696	0.0309362	0.0171245	0.0153031	0.0206121	0
KLHL14	0.0455966	0.016456	0.0143504	0.00951657	0.0154462
MN1	0.00582377	0.0241385	0	0.00978614	0
CPED1	0.0156534	0	0.00474472	0	0
FSTL1	0.0486365	0.0521593	0.0228355	0	0.00819787
HIST1H2BJ	3.21956	2.58032	2.0214	0.790786	0.737948
LOC440900	0	0.256146	0.0763691	0	0
VAV1	0.299391	0.0877331	0.333265	0.0363245	0.144386
ZNF843	0.0264883	0.0691522	0.0942628	0	0.0631541
GNG4	0.0265853	0.0305946	0.0468094	0.0178522	0.00711278
HLA-DRB5	0	0.110274	0.0328467	0	0
GLIPR1L1	0.0275456	0.119597	0	0	0
PYCARD	0	0.403956	0.196165	0	0.200898
SRRM4	0	0.00454124	0.00802514	0	0.00422866
TMEM25	0.109164	0	0.116119	0.0549027	0.0205966
BMP2	0.026201	0.063186	0	0.0145636	0
TNFRSF9	0.0116541	0.0284127	0	0.00650777	0
DCT	0	0.0153823	0.0271353	0	0.0143676
LINC00640	0.407638	0.172596	0.100012	0.0668959	0.162507
GDPD2	0.0143409	0.0393245	0.0176056	0.02397	0
SHROOM3	0.0213004	0.0100667	0.0206494	0.00394543	0.00940997
MRC2	0.00686265	0.0270344	0	0.0114797	0
MAP2K4P1	0	0.0128232	0.0223345	0	0.0120151
CALHM1	0	0	0.036153	0	0.0123905
RCAN3AS	0.481693	0.647085	0.530513	0.200518	0.152879
TSPY26P	0	0	0.142627	0	0.0489395
LOC100505841	0.80137	0.788953	0.589687	0.529029	0.215989
MYO7B	0.00522656	0.00688369	0.00623292	0	0.00630169
ARID3C	0.143225	0.141371	0.214681	0	0.17182
KLK15	0.0318457	0.139803	0.0774552	0	0.0403347
A2M	0	0	0.0188093	0	0.00650387
LRRC7	0.00343072	0.0100411	0.00435655	0	0
TP53AIP1	0.201965	0.0127316	0.0223915	0.0301476	0.035587
MYPN	0.00917188	0.0129613	0	0.00762729	0
C6orf123	0.0362812	0.0519995	0	0.0304361	0
COL8A2	0.00735282	0.030043	0	0	0
LOC100506422	0.00916101	0	0.03456	0.0151444	0
LOXL4	0.00819423	0.0110857	0.00995426	0	0.0102119
FNBP1	0.0307674	0.00714559	0.0126154	0.00852438	0
STXBPSL	0.00635121	0.00626821	0.0161945	0.00705713	0.00297005
VSIG1	0.00742	0	0.0280399	0.0123903	0
SLC2A5	0.0406645	0.056689	0.0664144	0.0226303	0.0349698
AGPAT4-IT1	0	0	0.0637181	0	0.0224901
PTENP1	0.011143	0.00819805	0.00711529	0.00929343	0
MYO1G	0.0113147	0.0148514	0.0269645	0.0188262	0
SLC9A9	0.01287	0.0277561	0.00807528	0	0.0174279
OR13J1	0.0443327	0	0.107102	0	0.0547331
HIST1H2BN	1.91067	1.61116	1.94365	0.898171	0.840887
DNAJC5B	0.0184019	0.0261171	0.0458532	0	0
GRM8	0.00641865	0.00912514	0.00797493	0	0.00854421
ARHGEF26-AS1	0.0389521	0.0234108	0.0100215	0.0261392	0
SYT12	0	0	0.0477244	0	0
TACR2	0.0255844	0.0178815	0.0157982	0.0214501	0
C8orf42	0	0.0577972	0.0637796	0.0238406	0.0203116
LINC00620	0.19693	0	0.0691908	0.0469358	0
STAU2-AS1	0.0419656	0.0602886	0	0	0.0375168
FOLR3	0.18169	0.121431	0	0	0.111225
BOLA1	0.457356	0.339183	0.183386	0.168999	0.189441
DLG2	0.0219998	0.00397869	0.00693969	0.00456554	0.00748245
CYP2F1	0.0479984	0.0322033	0	0	0.0295666
LOC100128288	0.0945723	0.0153141	0.0663349	0.0175012	0.0289758
CBY3	0.162383	0	0.0959415	0	0.0962056
CC2D2B	0.0118901	0.0175571	0.0151457	0	0.0166158
DPEP1	0.384927	0.20936	0.650214	0.0754844	0.190374
LOC100506834	0.0150589	0.00776365	0	0.00844795	0
LOC147646	0.0265667	0.0361384	0.0650999	0	0

CRYBB3	0.499917	0.267996	0.239738	0.167153	0.12217
ZNF813	0.0144713	0.0140947	0.0122558	0	0.00662363
PRSS37	0.0497759	0	0.0610231	0.0413717	0
PVRL3-AS1	0.0672347	0.0647682	0.0559409	0	0.0307004
LG12	0.229161	0.148527	0.173357	0.0647771	0.0915071
ACTN1-AS1	0.184265	0.122838	0	0	0.116028
COL9A2	0.027414	0	0.0162021	0	0.0165042
EFCAB13	0.0202573	0.0393508	0.0405342	0	0.0280729
SNORA46	2.52624	7.12187	0	0	3.6607
SNORA6	1.62884	2.19622	1.9547	0	2.19365
FAM19A2	0.0124429	0.00912487	0.00791353	0	0
MADCAM1	0	0.0880716	0.039817	0	0.0487129
ASAP1-IT1	0.10838	0.0632169	0	0.0355599	0.0296757
ECM2	0.0227344	0.0325153	0.0212365	0.0141239	0
LINC00173	0.356702	1.26669	0.0260876	0.176476	0.3829
WWTR1-AS1	0.128203	0.150919	0.0895537	0.0302014	0.0473915
LOC100506874	0	0.0388631	0	0.0149516	0
PPM1E	0.0239224	0.0251744	0.00872813	0.011436	0.00476594
MUC13	0.0164463	0.0116611	0	0	0.0109249
SPN	0.0039189	0.0163549	0.00965521	0.00655202	0.00506005
DPY19L2	0	0.0160002	0.00678427	0.00883289	0
HIST1H3E	0.79879	0.209704	0.188486	0	0.194211
CDIP1	0.0248322	0	0.0152417	0	0.015722
KRT17	0.18818	0.484911	0.332833	0.0778503	0.277818
WNT5B	0.0831632	0.0898716	0.0200632	0.0551282	0.0208913
KLHL30	0	0.0151011	0.068034	0.0189858	0.0138549
PLA2G1B	0.144656	0	0.175161	0	0
ALOX12	0.0133231	0.0361026	0.0487015	0.0222872	0.016561
SMC1B	0.0179385	0.012682	0.028038	0.00738323	0
TRIM67	0.00702339	0	0.00869216	0	0
PRPH	0.439515	0	0.171992	0	0.244173
ANP32AP1	0.0756604	0	0.0458466	0	0.0485299
DAND5	0.188287	0.129428	0.206862	0	0.143347
FOXDL3	0.0388545	0	0.0239293	0	0.0251684
SCGB1B2P	0.996668	0.567062	0.681979	0.353077	0.176565
KRT15	0.147643	0.0434553	0.117523	0.0271074	0.0399763
RPL13AP3	0.0539758	0.0249939	0	0	0
MIR1248,SNORA81	0	38.2908	2.2089	5.90522	8.79317
CDKL5	0.020653	0.0288855	0.0170082	0	0.0269121
CCL3	0.101904	0	0.0627576	0	0.0667868
TMEM45B	0.0600174	0.10352	0.0450714	0.02012	0.0644059
CLDN14	0.101734	0.0873675	0.161123	0.0563162	0.0267597
MFAP5	0	0.0349112	0	0	0
KLHDC9	0.073142	0.644089	0.219881	0	0.318595
FAM35BP	0.00609437	0.0358589	0	0	0.0171302
VN1R2	0.0582859	0	0.0722969	0	0.0533502
M1AP	0.0103625	0.0288499	0.0255623	0	0.0266218
KLKB1	0.00968806	0.0138953	0.0971135	0.0321763	0
PPIAP30	0	0.143315	0.0619156	0.0841988	0
RIN2	0.0571878	0.0357425	0.0472741	0.0105724	0.0473702
EGF	0.0082261	0	0.00518755	0	0.00554972
KISS1	0.228438	0	0.0902706	0	0
COL5A1	0	0	0.031224	0	0.00540016
DEFB131	0.494803	0	1.20005	0	0.70355
FAM71A	0.0244289	0.0328228	0.0147803	0	0.029971
SLC38A4	0.191218	0.0164119	0.0910404	0.0458291	0.0388719
GCNT3	0.0416519	0	0	0.0173036	0
ENPP3	0.012959	0	0.0082673	0	0.0089159
JMJD1C-AS1	0.895187	0.918378	1.00412	0.0832198	0.84084
C16orf62	0.0496013	0.0397352	0.0349563	0.0117718	0.0278501
NAP1L6	0	0.0535086	0	0	0
RIPK4	0.0465165	0.0632207	0.0113636	0	0.0347106
RHBDL2	0.0269188	0.132331	0.0666994	0	0
SRPX2	0.0118251	0.0328534	0.0868676	0.0196254	0.0152819
HIST1H2BO	1.05937	1.94622	1.42777	1.08911	0.329602
FAM83E	0.243136	0.287284	0.69509	0.122128	0.146209
FBP2	0	0.0664795	0.0296985	0.0408225	0
PYDC1	0.346483	0.599627	0.40794	0.574959	0
C13orf45	0.0452111	0	0.0284114	0	0.0315493
KRTAP5-10	0.123316	0.282047	0	0.0697857	0.103574
MAP1B	0.00364292	0.0102968	0.00682321	0	0.00241722
SPTBN4	0.277639	0.253184	0.0981216	0.0461601	0.116972
BCO2	0.0736328	0.0701792	0.0615054	0.0545354	0.0335516
C4A,C4B_2	0.0181282	0.00811768	0.0145655	0.0100337	0.00748115
SLC22A14	0.0475414	0.0218357	0.0386684	0.0264334	0.0199577
SH2D7	0	0.0445042	0.020098	0.0277047	0
SERPINA1	0.0499477	0.0687736	0.102574	0.0276644	0.0529217
LOC100653515	0.0415905	0.0364649	0	0	0.0337696
SND1-IT1	0.0778166	0.0858333	0.024772	0.0325377	0.0134831

LOC643401	0	0.289605	0.0632055	0.0851636	0.0674248
C9orf171	0.0393823	0.0541201	0.0964691	0.0328851	0.0496967
LINC00319	0.0558244	0.0373462	0.0167811	0.0233619	0
RS1	0.00861268	0.0244446	0	0.0144082	0
RUNX1T1	0.0064332	0.0142166	0.00408545	0.010786	0
DZIP1	0	0.0132433	0.0115113	0	0
MIR3651,SNORA84	55.0645	33.7057	11.3891	15.5183	17.0559
TMEM255A	0.00748067	0.0777261	0.00954177	0	0.0418222
KRTAP2-4	0	0.0877228	0.155462	0.106683	0
LRRC25	0	0.0851083	0.0191183	0.0263972	0.0196713
DMRT1	0.0141993	0.0614947	0.0356964	0.0237881	0
TPTE2P1	0.0128194	0.0138663	0.00810578	0.00534576	0.00436832
ISM2	0.0126573	0.0170053	0	0	0.0132309
SMAD5-AS1	0.0561217	0.0815821	0.124149	0.0469034	0.0191294
AOC4	0	0.0433952	0.0193499	0	0
EQTN	0.19206	0.0348234	0.0904327	0	0.066096
KCNN1	0.193983	0.211968	0.267494	0.0539588	0.134716
CDHR2	0	0.0105914	0.0190492	0	0
CRX	0.0252067	0.0352145	0.0465378	0.0314135	0.0164841
CETN4P	0.0881269	0.65515	0.222929	0.0729449	0.124702
MYH16	0.0610611	0.0156947	0	0.0199404	0.0145579
TMCC3	0	0.00561094	0.00977418	0	0
ARHGDI8	0.0428689	0	0.0794281	0	0.0553412
SERPIN7	0.0352612	0.0171655	0.163687	0.0391097	0.016218
RYR1	0	0.0061396	0.00278643	0	0
MAEL	0.0145432	0.0210212	0.0183113	0.0243184	0
NAT8L	0.0459226	0.0180634	0.0161285	0	0.0248399
JAKMIP3	0.128871	0.291918	0.0488849	0.0589836	0.107482
STYK1	0.182002	0.157931	0.197035	0.0394054	0.10619
HSD17B13	0.113656	0.146965	0.0505715	0.0343624	0.0143952
NACAD	0	0.0196438	0	0	0.00899004
CNDP1	0.0604045	0.136241	0.0149045	0.0804193	0.0158934
PCDH18	0.0965039	0.111464	0.0262886	0.0115286	0.0956602
LINC00568	0.207079	0.0922471	0.331188	0.113031	0.174954
LOC100288432	0.184945	1.25	1.11211	0.608681	0.233919
RAPGEF4-AS1	0.0141515	0	0	0	0.00649006
HLA-G	0.0732306	0.0968242	0.116826	0	0.0892724
ST8SIA5	0.0849472	0.0956469	0.0514744	0.070737	0.0354354
EMX2OS	0.00330229	0.0046275	0.00409361	0.00549584	0
NWD1	0	0.00494209	0.00877861	0	0
TLX2	0	0.0757955	0	0	0.0349681
LOC100131289	1.0623	1.79142	1.01307	0.15298	1.13944
PRELP	0.0204556	0	0.0188898	0	0
C7orf57	0.108358	0	0.0164541	0.0214709	0.0363274
LGR5	0.0272016	0	0.0341684	0	0.0122178
APOBEC3G	0	0.0415312	0	0	0.019324
TIGD4	0.153528	0.0621778	0.247762	0.0141082	0.0951643
C6orf223	0.0947125	0.151879	0.127057	0.0158122	0.107931
HAS2-AS1	0.0381194	0	0.0484111	0	0.0175807
ANKRD53	0	0	0.0744701	0.034691	0
LOC100287846	0	0.0210838	0	0	0.00990647
LOC285626	0	0.046367	0	0	0.0217917
LINC00511	0.0554247	0.0158812	0.0554476	0.0158812	0.0595885
RPL34-AS1	0	0	0.022027	0	0
POM121L9P	0.0564763	0.0306902	0	0	0.0212548
RLN1	0.0295316	0.0852028	0.0742386	0.0491398	0.0397661
STL	0.0115391	0.0572809	0.0295477	0.0192553	0.0272006
HSPA12B	0.10835	0.223277	0.147313	0.0515832	0.148705
LOC100506655	0.0189643	0.0264265	0.0234612	0.0157741	0
EFNB3	0.0105065	0.0291768	0.0258957	0.017653	0.0134635
GNRHR	0.00347336	0	0.00885885	0.005833	0
CNGA1	0.0286671	0.0824105	0.0358639	0.047335	0.00981401
SLCO1C1	0	0.0201783	0	0	0.00964284
KRTDAP	1.61097	0.828695	0.850587	0.377492	0.662311
CKMT1A	0.0484522	0.0875879	0.0783875	0.0536144	0.020218
SNORA22	2.69324	7.31944	0	0	0
SYCP3	0.130311	0.13251	0.163815	0.153486	0.0507308
LOC100129617	0.0708863	0.0604921	0.0708703	0.0714139	0
KRT5	0.22101	0.019608	0.177187	0.0977147	0
PSG5	0.0149456	0	0.0378455	0.0252586	0
SLC6A20	0.00495125	0	0.0123268	0.00828478	0
LYZ	0.0809732	0.0936044	0.0203374	0.0269232	0.0670668
HAPLN3	0.913024	1.42671	0.358531	0.374138	0.884007
STAG3L1	0.0757817	0.0419168	0.148101	0.0504278	0.0776904
C8orf46	0.0133457	0.00969351	0.0420813	0.0222401	0.00912186
TNFRSF1B	0	0.0121327	0.0109115	0	0.0111609
SERPING1	0.095342	0.0866949	0.0386665	0.0263485	0.0804841
ZNF733P	0.0116791	0.0165613	0.0146842	0	0
SNORD94	2.79301	10.9879	3.29656	4.5852	3.69483

HES2	0	0.0200705	0.0180084	0	0.0185597
TC2N	0.00406848	0.0311077	0.00527971	0.0136644	0.00596924
INTS4L2	0.0614702	0.13032	0	0.0256239	0.0402914
JPH3	0	0.0310525	0.0521907	0	0
MAML2	0.0503677	0.0592964	0.00524113	0.0210144	0.0274632
ATP13A4	0.0103175	0.00732492	0	0.00856582	0
LCN10	0.0158417	0	0.0383528	0.0263221	0
TMEM59L	0.421085	0.150437	0.10184	0.141585	0.137492
ARL17A,ARL17B	0.195944	0.25884	0.280265	0.0657958	0.126521
PBOV1	0.0359138	0.0267284	0.034493	0.0149852	0
HP	0	0.0281725	0.0252003	0	0.0262054
CPM	0.00333694	0.0292754	0.0126887	0.00557614	0.00462013
SLC7A5P1	0.295262	0.372178	0.690732	0	0.170171
C11orf52,HSPB2	0.0488457	0	0.116991	0.0809486	0
QOEP	0.0522208	0.071736	0.0633028	0	0
FLJ33360	0.0689812	0.114471	0.100418	0.0573566	0.0611874
B3GNT4	2.43596	2.93734	1.79352	0.577472	2.67141
RASGRF1	0.0110199	0.00768156	0	0.0091781	0
GOLGA7B	0.191425	0.0823883	0.319998	0.0655009	0.081807
SNORA45	2.96448	7.89429	0	0	0
PTGER4	0.109793	0.181636	0.158816	0.070385	0.137201
ARL4C	0.123984	0.369234	0.0826199	0.0122464	0.168731
OR2B6	0.179521	0.132679	0.301934	0.100015	0.0413838
PIGR	0.0134041	0.00915211	0	0.0111256	0
SLC16A8	0.0773414	0.100603	0.0458468	0.0648001	0.0461744
PRG2	0.0404635	0.103076	0.0490861	0	0.0960064
FKBP6	0	0.0269715	0.024505	0	0.0257372
XKRX	0.0364477	0.0389986	0.0340085	0.0302698	0.0243459
DPYSL4	0.0911271	0.119381	0.0180116	0.0252666	0.0364997
PRICKLE1	0	0.00803147	0.00701624	0	0.00754129
HIATL2	1.05456	1.46104	1.45867	0.84082	0.709433
METTL7A	0.0319895	0.0232288	0	0.0133738	0
MDS2	0	0.0454093	0.0396578	0	0.0429168
ALOX5	0.0688175	0.0370722	0.0331543	0.0458222	0
S100A4	0.365984	1.1029	0.705029	0.240019	0.469934
GPR124	0.0643412	0.0667925	0.120245	0.0239509	0.0782079
KCNMB2-IT1	0.0543705	0	0.264791	0.0886032	0.0725597
CYBRD1	0.0158389	0.0311119	0	0.00882823	0.0149344
KLK1	0.0778178	0.211996	0.0940256	0	0.194789
TMEM139	0.0751199	0.163468	0.0207589	0.0279621	0.0438263
RIMS1	0.0961366	0.0576927	0.213778	0.0536229	0.0633603
KIAA1683	0.0362925	0.047749	0.0216623	0.0150633	0.0108146
TRIM34,TRIM6,TRIM6-TRIM34	0.438664	0.402859	0.476717	0.221371	0.278622
SYNM	0.00420641	0.0151724	0.00519122	0.00698241	0.00549698
SP5	0.880675	1.20916	1.00351	0.184599	0.755219
ST14	0.0381985	0.0167711	0.0303325	0.021307	0
FKBP1AP1	0.0344978	0.0250346	0.0434575	0.028839	0.0236241
TRIM17	0.0288742	0.0750245	0.0228089	0.0316866	0
ELANE	0	0	0.176358	0	0.0905237
DNAH7	0.00323677	0	0.00203992	0.00269081	0
LRRC37A11P	0.0137744	0.0190518	0.0253489	0	0.0176159
CD33	0.18387	0.0978995	0.108278	0.0434054	0.0574483
SLC28A3	0.00957485	0	0.00602649	0.00797149	0
FOXDL6	0.0585472	0	0.0901493	0.0244753	0
COCH	0.0170306	0	0.0107458	0.0141955	0
COL23A1	0.0266658	0.0173314	0.0317232	0	0.0159213
KRT34	0.0564236	0.125131	0.0452358	0.0933444	0.0230739
CPXM2	0	0.055556	0	0	0
RPL13P5	0.942805	1.53996	0.865699	0.0912609	1.15462
SCARNA6	0.558679	0.382959	0	0	0
DEFB134	1.2156	0.876911	0	0	0
RGS17	0.0633744	0.11533	0	0.0262081	0.0662083
RNF39	0.0895444	0	0.13603	0.0374749	0
PGM5-AS1	0.165193	0.478464	0.0694399	0	0.369759
HRH4	0.0154405	0.0114891	0.0393672	0	0.0216134
CNBD2	0.114784	0.100667	0.150478	0.0762207	0.0591491
SERPINI1	0.492601	0.349727	0.287011	0.27338	0.243977
GPR132	0.0101906	0.0135889	0	0	0.0123735
BTBD16	0.0622865	0	0.0760772	0.051563	0.0200744
PXT1	0	0.0174817	0.0457753	0	0.0329857
PVRL4	0.0992311	0.0804311	0.0712607	0.0693528	0.0319832
MACC1	0.0129951	0.00323631	0.0111512	0.00725557	0.00309658
NDRG2	0	0	0.0333933	0	0.0174836
KALRN	0.0450643	0.0301562	0.0168497	0.0130476	0.00498392
GPRC5C	0.314563	0.593916	0.358144	0.115423	0.25641
SH3RF2	1.36197	0.569981	0.544607	0.416277	0.444018
IDH1-AS1	1.30864	1.53438	1.24654	0.311646	1.19058
IL22RA1	0.909764	0.964652	0.458438	0.378124	0.643928
USP49	0.125981	0.147846	0.178426	0.0483857	0.0882356

ZNF705A	0.00607012	0.0177021	0.00768888	0	0.0166706
PDE1B	0.00930202	0.0127108	0	0	0.0116658
HIST1H2BD	19.9683	14.4227	15.6772	10.107	6.69156
KCNE2	0.284899	0.246372	0.350623	0	0.0915133
POM121L10P	0.0417299	0.0479743	0.0273059	0.0267237	0.0240498
OPN1SW	0.0735882	0.205018	0.314606	0.0614725	0.188907
SNORA54	0	35.7505	0	0	19.0667
NREP	0.0888011	0.093274	0.0647697	0.0425553	0.0888125
C1QTNF9	0.0385426	0.0364305	0	0	0.017222
ALOX5AP	0	0	0.0879596	0	0.0470178
CLDN4	0.222127	0.164523	0.237273	0.082853	0.120486
SPATA32	0.0769414	0.0673436	0.0304966	0	0.093584
KRT80	1.49225	0.674854	1.24937	0.727536	0.516581
LOC728558	0.017226	0.0335763	0.0218437	0	0.00791999
DAW1	0	0.0615726	0.0895433	0.0239364	0.0570483
HOXD1	0.130495	0.151349	0.106713	0	0.170105
EPN2-IT1	0.0354783	0.0490924	0	0	0.0454279
HCG17	0.173955	0.436178	0.378125	0.216005	0.235946
LOH12CR2	0.347703	0.343212	0.389209	0.0865141	0.277145
SGK2	0.259481	0.517638	0.183819	0.112541	0.244318
SRD5A3-AS1	0.083172	0	0.0678014	0.0455584	0.0353468
SERPINE3	0.0431474	0	0.0788029	0	0.0276343
LOC728024	0	0	0.0409078	0	0.0220517
KIAA1199	0.0820041	0.087237	0.104886	0.049526	0.0190578
ANKRD1	0.508255	0.513818	0.30715	0.253744	0.189161
EPHA1-AS1	0	0	0.0103351	0	0.00557685
SMOC1	0.00756967	0.010527	0	0	0.00979484
LOC100289187	1.18848	1.74501	1.77897	0.773364	1.05255
DAB2	0.010876	0.0393089	0.0547881	0.0181261	0.0288644
IGFALS	0.223511	0.245233	0.149469	0	0.335141
HIST1H1D	1.50935	0.714024	1.69141	0.710723	0.660854
LOC100131726	0.102135	0.14029	0.093941	0.0848601	0.0970127
NRON	0.0176916	0.0251302	0	0	0.0232947
IMPG2	0.019495	0.0143774	0.0278996	0.0203371	0
NFATC4	0.745595	0.361519	0.53988	0.188516	0.492425
TMEM191C	0.718505	0.976555	0.320925	0.274784	0.636319
HOXA-AS3	0.0155491	0.0761593	0.038489	0.0129823	0.0303989
HHIPL2	0.138604	0.189972	0.168988	0.191221	0.0590008
NDNF	0.00853348	0.0122139	0.0426106	0	0.0346598
C20orf118	0.0846015	0.0393391	0.0346561	0	0.0367424
NCF1	0.0344003	0	0.0406297	0	0.0411153
PDCL2	0.055689	0	0.0348429	0	0
NELL2	0.0338281	0.0193141	0.00848026	0.03358	0
SLN	0.15664	0.110285	0.0484494	0	0.103566
SNORA57	13.0803	34.263	12.8406	7.1557	14.4462
MAP1LC3A	0.201411	0.120935	0.108172	0	0.0612517
SCARNA8	0	4.19232	3.66135	0	4.32398
SSUH2	0.159055	0	0.205388	0.030997	0.0710747
GPR52	0	0	0.0440065	0	0.0242958
SNORA18	44.5206	60.0881	43.1041	19.6271	40.0724
TTN-AS1	0.205206	0.246755	0.172197	0.106606	0.0844953
DHRS4L1	0.122429	0.200443	0.149561	0.0818891	0.0923459
TUBA3D	0.044029	0.0294646	0.132761	0.0369477	0
SLC35G5	0	0.132032	0.0391931	0.0539329	0.0405283
TCN2	0.0816888	0.0416714	0.0793669	0.0544853	0.0573993
FAM81B	0.0146432	0.0206032	0	0	0.0195261
HIST1H2BC	3.57935	0.358537	3.72339	1.54778	0.821832
CSTA	0	0.509549	0.676667	0.263443	0.222682
FXD7	0.158504	0.520285	0.09421	0	0.291156
ASPDH	0.169135	0.0743737	0	0	0.135208
CYP21A2	0.0457288	0.122282	0.145967	0	0.0942476
EPO	0.143508	0.267591	0.17142	0.047555	0.177273
ANKRD65	0.0214311	0	0.0259007	0	0.0264333
CDO1	0.0148315	0.0852009	0.0558612	0	0.0606096
ZNF512B	0.102148	0.0401632	0.0290809	0	0.0220662
KCNA7	0.0205466	0	0	0.011427	0
NAPSA	0.0505204	0.103862	0.0921039	0.0424132	0.0953869
LINC00665	0	0.0255658	0.203073	0	0.0958233
GGT8P	0.0478214	0.0160547	0	0	0.0148242
LOC100506394	0.0653861	0.457337	0.196586	0.130794	0.178217
SLC8A2	0.0352185	0.0119366	0	0	0.0110064
OAS2	0.0102819	0.0144314	0.0207414	0.0170134	0.00842767
ZNRF3-AS1	0.0721341	0.0435259	0.0128541	0.0171422	0
CLIC3	0.300636	0	0.116701	0	0.234807
CLIC2	0.105756	0.197787	0.226008	0.117359	0.129325
FLJ26245.RNA5SP411	0.0157474	0.070056	0	0.0262317	0.0220324
TP1P3	0.0471044	0	0.0576391	0	0.0592242
ATP6V0A4	0.0169145	0.0117693	0.0104015	0	0.0221177
HIST1H2AM	6.86653	2.79329	4.70525	2.59498	2.10095

LOC148709	0.297778	0.449462	0.221156	0.160051	0.259297
LOC100507091	0.0125963	0	0.0154389	0	0.0158825
EXOC3L4	0	0.0296861	0.108221	0.0382887	0
LOC100188947	0.199458	0.312925	0.06195	0.0833133	0.063621
LOC645638	0.0593881	0.166116	0.146059	0	0
ANGPT2	0.00804539	0.00592386	0.0204485	0.00669637	0.00562217
RTN1	0.0355204	0.0512885	0.011522	0	0.0242244
MYLK3	0.0259643	0.0166877	0.0181853	0.0241355	0
VTRNA1-3	0	132.175	133.835	0	151.568
LINC00266-1	0.0466506	0.125062	0.11297	0	0
PDGFRB	0.0107468	0.0145071	0.0194995	0	0.00667321
FBXW12	0.101809	0.0714168	0.083482	0.0278786	0.0888856
ARL9	0.224588	0.155332	0.318201	0.123828	0.142347
SNORD58C	0	89.4693	88.26	0	101.711
COX8C	0.181238	0.126521	0.111172	0	0.23982
SOX15	0.324982	0.67029	0.346843	0.181281	0.396764
NPHS1	0.100258	0.0764948	0.0762026	0.0628213	0.0156636
ACSM1	0.0119559	0	0.0145819	0	0.0152138
HBBP1	0.306444	0.24508	0.107321	0.144807	0.232198
SH3GL1P2	0.0715395	0.0949325	0.137656	0.0716736	0.0520468
PVRIG	0.0519507	0.0695501	0.0313617	0.0871384	0
HRC	0.00959053	0.0248645	0.0345165	0	0.0229397
C16orf86	0.325331	0.654943	0.388036	0.421658	0.298693
A2M-AS1	0.0560118	0.211935	0.127475	0.0747641	0.0914297
PAGE2B	0.121686	0.496911	0	0.19774	0.156901
AKR1B1	0.0193239	0	0.023729	0	0.0247786
LOC100128770	0.0383981	0.15461	0.0308524	0.0426503	0.063407
DACT3-AS1	0.079077	0	0.0969142	0	0.10134
OPRK1	0	0.0143533	0	0.00822063	0
WWC3	0.0235333	0.0263015	0.00581058	0.0235971	0
KCNJ4	0.0504981	0.098679	0.0592162	0	0.120274
GOLGA6L10	0.0816101	0.0626228	0.0551637	0.041709	0.0508784
HHIP-AS1	0.238818	0.112065	0.0990829	0.177002	0.0348708
LGALS4	0.0884444	0.358774	0.0711213	0.0492057	0.146746
TGFBI	0.0304585	0.0138527	0	0	0.0256759
DUSP15	0.0969024	0.385987	0.230295	0.160032	0
ZBTB20	0.11394	0.047706	0.104969	0.0171872	0.104618
CGB7	0.662614	1.83874	0.85462	0.460256	1.49458
TRPM5	0.0109084	0.0427405	0	0.0182149	0.0129949
LIPT2	0.942505	3.3553	1.65566	0.865921	2.14977
FEZF1	0.277298	0.500917	0.121831	0.0994255	0.180776
MRGPRX3	0.084472	0.14724	0.181878	0	0.0544046
PDZD2	0.00650364	0.00300825	0	0	0.00558935
C11orf34	0	0.0472123	0	0.027583	0
FCGR2B	0	0.0331726	0	0.0193909	0
PBX1	0.191021	0.341515	0.232856	0.0958374	0.183054
RAB3A	4.47462	2.99874	1.70016	1.59746	2.58214
HLA-F-AS1	2.83843	1.97112	1.86861	1.4911	1.44145
KLHL10	0.0580488	0.0821019	0.101463	0.0194206	0.0610137
HM13-AS1	0.249846	0.224405	0.491567	0	0.425473
BHLHB9	0.177635	0.172569	0.204836	0.0987799	0.141493
LRRC3-AS1	0.0879348	0.0591209	0.105909	0.0723413	0
BEND3P3	0.0672007	0.03787	0	0.0224675	0.0234716
HIST1H2AH	1.73408	1.57347	1.42206	1.77432	0.323739
FOXL1	0.0473664	0.0832629	0.0581542	0.0591348	0.0312342
SNORA76	21.5522	14.0424	6.22927	17.3246	7.30778
BIRC3	0.766432	1.10706	0.514257	0.451036	0.738434
LOC100507300	0.0311706	0	0	0	0
TAT	0	0.0273253	0	0.0161005	0
MTUS2	0.0271322	0.0189899	0.125809	0.0565915	0.00879362
ALPK3	0.0591874	0.0256009	0.0360722	0.0223879	0.030357
RNF112	0.543806	0.466385	0.248408	0.256792	0.238596
SYDE1	0.0410386	0.0364746	0	0.0459813	0
ASIC4	0.0142118	0.0376665	0.0170149	0.0237619	0.0172398
SLFN1	0.136399	0.128832	0.186913	0.130434	0.0704467
MAGI2	0.276856	0.390421	0.438656	0.166297	0.247555
FOXD4L5	0	0.0320986	0	0.0190692	0
MTRNR2L1	0.525259	1.51931	0.66492	0.4009	0.651226
CSDC2	0.109887	0.041621	0.0942483	0.0263402	0.0380775
RNF148	0.227429	0.190597	0.213487	0.157467	0.0507766
LUZP4	0.0125979	0	0.015653	0	0.0169406
FAM132A	1.82255	2.45402	1.04334	0.980542	1.9019
SLC15A2	0.0386646	0.0342311	0.0098657	0.0194223	0.0161204
HIST1H2AD,HIST1H3D	2.77156	2.03068	3.82031	1.90608	1.5825
HBA2	0.102411	0.930974	0.484865	0.170086	0.740084
PDE7B	0.139751	0.142743	0.150767	0.0920563	0.0758842
LOC727896	0.0470719	0.017609	0	0.0196611	0.00849186
COL1A1	0.0570092	0.152642	0.0690376	0.0638468	0.070103
CSPG4	0.0362496	0.030084	0.00544011	0	0.0273519

GPR85	0	0.00677229	0.00575511	0.00750161	0
PGAM4	0.17906	0.159759	0.2024	0.0271861	0.211541
LOC145837	0.0407834	0.077255	0.0677449	0.0452658	0.0182235
TAS2R46	0	0.0417623	0.0357637	0.046646	0
ENDOD1	0.277132	0.613436	0.435504	0.202599	0.3382
PPEF1	0.250672	0.191256	0.281853	0.0872649	0.214062
SERTAD4-AS1	4.36714	4.58952	5.11874	1.42347	3.20058
RHOBTB1	0.794638	0.687778	0.794476	0.412157	0.644025
PPEF2	0.0457655	0.127448	0.00941651	0.0126696	0.0987423
CERKL	0.0462311	0.0227695	0.0295575	0	0.0323893
UNC5B-AS1	1.53741	2.44957	2.08935	0.367071	2.00687
DACH1	0.273832	0.269152	0.328453	0.125324	0.23839
TPH1	0.0122211	0	0.0153893	0	0.0169003
CCDC114	0.0766524	0.189511	0.0788933	0.0729807	0.0802819
FERMT2	0.0556478	0.0180385	0.0392931	0.0103454	0.0254872
ABCC11	0.0304526	0.0419781	0.0289143	0.0202326	0.0310524
ITGA10	0.151601	0.139955	0.124114	0.0755127	0.0715871
SPDEF	0.0475132	0.0619715	0.0282224	0	0.0846192
TMEM92	0.101948	0.08425	0.137915	0.017001	0.0386677
LINC00669	0.830191	0.770711	0.480675	0.49651	0.434467
FUT3	0.0186031	0.0750812	0.0445445	0.0620806	0.0230286
LYPD3	0.352102	1.62097	0.342268	0.512403	0.66865
EPS8L2	1.55913	2.83136	1.08639	0.660182	1.90113
LOC100128076	0.137708	0.300931	0.0415106	0.0862519	0.210773
SSTR2	0.0163893	0	0.0307094	0	0
GALNT3	0.0326716	0.0194276	0.0250618	0.0109221	0.0368459
GPR157	0.174095	0.530241	0.27416	0.193587	0.414088
KLK4	0.0578561	0	0	0	0.0359954
COLEC10	0.053215	0.0762108	0.0498655	0.0221384	0.089309
CYP3A5	0.0776859	0.0566937	0.138079	0.0887142	0.05366
LRRC19	0.00551126	0.0252001	0.0143171	0	0.00803043
C18orf56	6.21989	8.21614	9.23914	4.15043	6.17227
LINC00441	0.127579	0.0711374	0.189651	0.084966	0.0662508
PADI3	0.0355109	0.0243529	0	0.014837	0.0224444
KIAA1958	1.2197	0.969857	0.742471	0.486758	1.03784
SNORA32	0	9.12974	8.03625	10.6512	0
SCN11A	0	0.0050262	0.00438755	0.00584136	0
TAS2R31	0.0259274	0	0.0330459	0	0.0368308
IHH	0.0863384	0.0285763	0.103478	0.0722932	0.026063
FLJ25758	0.0204274	0.083163	0.0494922	0.033907	0.0255943
ABCA17P	0.123802	0.144866	0.187416	0.103252	0.107678
GVINP1	0.0137123	0.0130945	0.0114845	0.00758273	0
LOC440925	0.135543	0.306599	0.136312	0.15004	0.171268
HCG9	0.126378	0.335637	0	0.210062	0.0778486
SSPN	0	0.0155446	0.013301	0.00866551	0
ZPLD1	0.0408679	0.0351115	0	0.00978883	0.0166014
HIST2H2AB	0.465882	0.199354	0.358655	0	0.378822
GPR162	4.62661	7.90635	3.39053	1.93943	5.99916
PTGER2	0.0476775	0	0.0300635	0	0.0487949
STARD4	2.35855	2.20944	1.43364	1.03797	1.6518
EPHA1	0	0.0262495	0	0.0163939	0
HNMT	0	0.0550382	0.0481412	0.0644822	0
KLK14	0.488899	0.149756	0.22546	0.187538	0.0923987
CCDC80	1.40759	2.09473	1.26849	0.623897	1.67725
C10orf10	0.0736909	0.23948	0.0179607	0.0245955	0.183745
LINC00313	0.0735353	0.192614	0.0843246	0	0.0919923
SLC5A2	0.132814	0.117838	0.237645	0.0371388	0
GFR3	0.219717	0.0249261	0.17896	0.122917	0.045472
SLC47A2	0.0287674	0	0	0	0.0181383
LEMD1	0.120748	0.128807	0	0.0752739	0
C2orf62	0.0856229	0.150938	0.102243	0.0940133	0.0697238
HIST1H4I	1.39346	1.02644	1.11636	0.777624	0.381668
NKAPL	0	0.0409225	0	0	0
L1TD1	0.0282629	0.0200266	0.0353994	0.0232367	0.012819
FABP6	13.241	9.53501	14.8954	7.99053	7.75752
APOL6	0.115497	0.161931	0.166654	0.0690237	0.148094
C2	0.179172	0.15946	0.209671	0.11454	0.132759
ATP6V1C2	0.343043	0.351329	0.409726	0.24742	0.33091
INSL3	0	0.157198	0	0.0990348	0
CHRM4	0.214597	0.325066	0.147437	0.0513166	0.331093
SNORD10	8.78062	23.1195	4.14539	5.73115	14.0458
TRIM46	0.14375	0.122113	0.0814294	0.067897	0.129284
ZMIZ1-AS1	0.0858701	0.0876238	0.0458192	0.0408562	0.0983107
SPEG	0	0	0.054077	0	0.034381
OSBPL1A	4.72662	3.71788	4.00855	2.16225	3.49961
PPP1R12B	0.667503	0.597191	0.525348	0.348915	0.443074
CTAGE9	0.0922913	0.0477003	0.0629766	0.027746	0.0562495
SLC26A1	0.732462	0.441479	0.834633	0.489434	0.563856
CTAGE15P	0.117291	0.190444	0.157121	0.0970109	0.0786056

EXD1	0.00786955	0.0114325	0.0198481	0	0.0107883
PCDHGB8P	0	0.0191943	0.01693	0.02285	0
SRMS	0.136222	0	0.0804435	0.0568089	0.0807331
LOC100128750	0.346564	0.695563	0.706418	0.385778	0.249324
ZNF586	0.701742	0.846311	0.467421	0.200741	0.463696
CCDC13	0.0426607	0.0139466	0.0127167	0	0.025689
PCDHB6	0.0413488	0.0147339	0	0.0172402	0
GNAT2	0.14483	0.0998495	0.0221903	0.0598227	0.0463172
TGM4	0	0.0112081	0.00994735	0.0134194	0
TMED10P1	0.193166	0.172574	0.154067	0.0962403	0.111863
CRB3	1.43354	1.96609	2.35198	1.38228	0.983924
WHAMMP2	0.0213479	0.0572795	0.0384512	0	0.0364003
ANKRD61	0.0946174	0.156597	0.0927583	0	0.120101
TCERG1L	0	0.0381753	0	0	0
LOC100129055	0.115636	0.217516	0.0295684	0.0644344	0.0978626
ALS2CR12	0	0.0759498	0.0269805	0.0179277	0.0286254
SLC44A4	0.0677118	0.0372016	0.049631	0	0.0513641
LOC100506801	0.166079	0.106246	0.0813982	0.0368442	0.111583
BRD7P3	0.0145384	0.020941	0.0366026	0.0360862	0.0100083
BOK-AS1	0	0.0749432	0.0661319	0.0901827	0
FLJ42351	0.876908	1.19263	0.803706	0.24251	0.831897
WFIKKN1	0.344598	0.219687	0.202356	0.0580192	0.198701
FLJ27354	0.857096	1.00775	1.10847	0.374876	0.896381
PTCSC3	0.042222	0.0300711	0.0262772	0.0350348	0.0282385
B3GAT2	1.73498	2.52619	1.7342	1.01663	1.63991
TNFSF14	0.0259708	0.0605397	0.0214796	0.0582348	0.0110969
PRR26	0.143817	0.142392	0.0373188	0.0507462	0.0506328
LOC100652739	0.36207	0.37182	0.170534	0.120412	0.339874
CMYA5	0.00607262	0.00214179	0.00189369	0.00250372	0.0040271
GCKR	0.159528	0.116838	0.194967	0.102106	0.137591
HOXA2	0.226419	0.29447	0.256437	0.219463	0.2502
ADORA2A-AS1	0.0775181	0.0824865	0.044486	0.0656076	0.0453177
RASAL2-AS1	0.0217777	0.097684	0.125936	0.0366394	0.122708
CACNA1H	0.0248675	0	0.00733603	0.0207998	0
ZNF790-AS1	0	0.0889574	0.0596802	0.0397968	0
MLLT4-AS1	0.189694	0.249634	0.157296	0.105901	0.169419
DKKL1	1.11324	1.09222	0.654216	0.587108	0.404229
C21orf90	0.601501	1.54114	0.64712	0.414717	0.711858
LOC285740	0.0240519	0.0404948	0.0298153	0.0398382	0
FSD2	0.0175605	0	0	0	0.0114605
CORO6	0	0.0432504	0	0	0
C5orf27	0.0275899	0	0	0	0.0180088
NCOR1P1	0.189336	0	0	0	0.123588
ST7-OT4	0.0534363	0.157306	0.179403	0.059278	0.0994589
CLDN2	0.045695	0.0352832	0.0452056	0.0423965	0.0234399
HPCA	0.490605	0.172929	0.125099	0.172145	0.159909
ALDH1A3	0.00757585	0.0215798	0.0470921	0.0126177	0.0101763
FUT7	0	0.0471568	0	0	0
HIST2H3D	0.172545	0.663386	0.811148	0.286862	0.204584
DNM3	0.0243823	0.0324604	0.0104139	0.00905979	0.0153636
AQP8	0.120558	0.120725	0.145016	0	0.148333
LSM11	2.11144	2.03095	2.26912	1.10852	1.65861
COLEC11	0.980033	0.766221	0.583666	0.567756	0.572898
RPL13AP6	0.723103	0.264108	0.396488	0.546633	0.243398
GPBAR1	0.151965	0.152143	0.274301	0.127819	0.0495648
PRSS16	2.86179	3.03133	2.86341	1.77301	1.93879
SYT3	0.0685886	0.112778	0.0611692	0.0285314	0.0413668
PTTG2	0.111324	0.394156	0.276521	0	0.514521
LINC006233,LOC728875	0.786567	0.940048	0.875581	0.469527	0.796797
TCAP	0.240224	0.157264	0.336378	0.267409	0.143704
MID1	0.0525327	0.054814	0.0524948	0.0502022	0.0412755
GPR146	7.98469	6.95283	4.34296	2.95764	6.48097
LRRN2	0	0.0304466	0	0	0
FAM69A	2.95761	2.45727	2.59745	1.90117	1.74948
LOC100129138	0.146819	0.236165	0.106869	0.146048	0.0724267
OR2H2	0.444218	0.0888724	0.389926	0.105523	0.331994
HIST1H2BG	3.55813	1.39354	4.30529	2.84649	1.42338
LOC729444	0.022647	0.0314092	0	0.0126333	0.00955717
SIGLEC16	0.292745	0.291527	0.333019	0.130328	0.268157
MEX3B	1.65499	1.63262	1.00585	0.817208	1.16374
CACNA11	0	0.00510656	0.00458999	0.00636206	0
RAPSN	0.0613005	0.174703	0.12973	0.0509771	0.190342
PLGLB2	0	0	0.0183138	0.0120226	0
RASL11B	0.0293059	0	0	0	0.0193779
MORF4L2-AS1	0.175325	0.20294	0.112632	0.120889	0.101454
HIST1H1E	3.68131	3.25952	2.88567	2.55908	1.03103
UBA7	0.222618	0.311951	0.118901	0.11891	0.219161
C1orf189	0.17981	0.126858	0.111599	0	0.115423
ZNF860	0.0769807	0.00930132	0.0893678	0.0638831	0.0174884

LOC554223	0.0812802	0.112294	0	0.0452452	0.0348272
SVEP1	0.00355031	0	0	0	0.00235739
NDRG1	434.258	604.523	297.49	183.972	478.134
SPAG5-AS1	0.750616	0.670429	0.335631	0.34797	0.40784
TAS1R3	0.189514	0.0549609	0.174981	0.106335	0.0988715
ZRANB2-AS2	0.201808	0.124298	0.431763	0.188568	0.159898
CA14	0.0150205	0.0418749	0.0184714	0.0498142	0
ZSCAN10	0.0525194	0	0.0617929	0	0.0309045
ZBTB26	1.43967	0.982641	0.840513	0.629274	0.939365
ARSI	0.0246264	0.0329309	0.0739448	0.0205184	0.0453249
FNDC5	0.0181181	0.0740595	0.0654292	0.0224755	0.0346058
INPP5D	0.169777	0.492493	0.18308	0.114804	0.33747
SPNS2	1.08868	1.22237	1.28258	0.525578	1.35034
ADAMTS6	0.0549297	0.0798182	0.0219275	0.0193472	0.0591429
MSLN	0.0687673	0.0899838	0	0.0382036	0.0275912
REN	0.0207668	0.0852813	0.050535	0.103913	0
PRUNE2	0	0.00236221	0.002073	0	0
CSTF3-AS1	0.0284675	0.0205061	0.0178526	0	0.0191689
ZNF205-AS1	0.187871	0.329768	0.324798	0.177233	0.101929
BCL3	11.8893	11.9338	8.1397	5.92592	8.11193
DGCR10	0.0642845	0	0	0	0.0430309
FAM226A	0.693477	0.760847	0.511031	0.330835	0.506014
LOC729683	0.571133	0.710651	0.985899	0.413129	0.540074
IL7	0.751054	0.667726	0.801602	0.323889	0.806711
ETV3	0.639971	0.567519	0.42963	0.336921	0.384721
HAS2	0.510401	0.2023	0.740833	0.2394	0.390784
FAM83A	0.119264	0.0592434	0	0.0475446	0.0218824
NPFF	2.38798	1.69619	1.69312	1.33255	0.900826
SEMA7A	0.263769	0.227919	0.395739	0.176265	0.197091
SAMD12-AS1	0.0849122	0.1201	0.0522629	0	0.173036
CLDN3	2.19658	1.53867	3.32081	1.74178	1.77518
USP32P1	0.239492	0.13695	0.222959	0.136651	0.128929
IQGAP2	0.00338059	0.0144962	0	0	0
OLFML2B	0.758319	0.526925	0.603267	0.381502	0.623702
GOLGA6L10	0.0937819	0.0802419	0.03927	0.0311524	0.0676349
HIST1H4A	0.603416	0.404065	0.540726	0	0
NAALAD2	0.0632098	0.120362	0.0720637	0.0736983	0.0528312
FTH1P3	0.179484	0.0491114	0.393758	0.0596493	0.0456087
CADPS2	0.867886	0.992168	0.83222	0.470305	0.941288
RNF223	0.343123	0.147435	0.477098	0.28895	0.0662228
LOC100507250	0.299457	0.260392	0.304898	0.188444	0.2815
GCNT4	0.0649841	0.0439516	0.0151079	0.0394805	0.0334046
CDHR3	0.0321323	0.0591418	0.0480393	0.0213872	0.0383504
TRIM58	0.0212984	0.0154504	0.0469783	0.0178539	0.02904
DYNC111	0.167586	0.152717	0.11429	0.0835965	0.120698
LOC79015	0	0	0.0518488	0.0348437	0
DNAI1	0.0197102	0.0534535	0.0240141	0.0163321	0.0493642
GRIN2C	0.126287	0.256813	0.176886	0.134088	0.164845
FLJ37201	0.0826058	0.0541022	0.0732209	0.0605077	0.0439653
RRAS	45.6541	53.2006	30.8834	20.6585	43.9639
ANAPC1P1	0.0260318	0	0	0	0.0176359
SSBP2	2.102	2.47078	1.89492	1.0067	2.14459
CACNA1G	0.0050782	0.0204586	0	0.00839807	0
C10orf55	0.23983	0.256865	0.278087	0.11072	0.34355
SBSN	0.0759954	0.0206082	0.0454442	0	0
OR13A1	0.040956	0.0195191	0	0.0227858	0.0181148
FPR3	0	0.0657284	0.011397	0.0151668	0.0371245
HIST1H2AE	12.2069	9.22312	14.5528	9.24977	5.20239
LINC00239	0.115769	0.157497	0.281515	0	0.0717876
GDPD3	2.37267	1.59419	1.74436	1.7447	0.866542
ACSBG1	0.0519428	0.154063	0.12556	0.0344992	0.0643215
RPL19P12	0.0535407	0	0.131625	0.0442854	0.0343932
ENPP6	0.0253142	0.00895061	0.0552123	0.0105453	0.0167164
LCN12	0.0704818	0.279418	0.251123	0.117511	0.17073
KIF17	0.712726	1.18687	0.620386	0.43254	0.67912
ZNF732	0	0	0.0428915	0.0140601	0
TMEM74	0.0123499	0.0180392	0	0.0206635	0
LOC730091	0.00708946	0.0103217	0	0.0118396	0
TCF7L1	0.250772	0.0938908	0.118514	0.162866	0.104107
APOA1	0.169935	0	0.066443	0.0933873	0.0678667
IQCD	0.17111	0.256502	0.181066	0.0703783	0.15932
RAB30	0.265121	0.590233	0.13476	0.0258756	0.597587
SPDYEBP	0	0.0129466	0.0336152	0	0
LMOD3	0.0051618	0.00740473	0	0.0085671	0
MAF	0.0155583	0.00583333	0.00500448	0	0.0110756
PSTPIP1	0	0.0288013	0.0787357	0.0733241	0
RPRML	0	0.0972971	0.0878862	0	0
ALLC	0.229885	0.263996	0.116342	0.0630198	0.322159
SYCE1	0.0597639	0.025777	0.0472208	0.0326731	0.0237836

DLEU2L	0.268919	0.228189	0.174731	0.202007	0.160474
EAF2	1.49384	2.67707	2.03371	1.15746	2.01137
PON3	1.06578	0.95618	1.0176	0.505768	0.801875
RPS6KA2	0.319168	0.319928	0.330963	0.174774	0.277071
PIN4P1	0.0199133	0.0557133	0.0123662	0.0165141	0.0262974
C1orf106	0.366689	0.234834	0.280198	0.191224	0.225864
ANKRD37	23.5638	10.1479	10.6546	10.4851	9.38844
DRD4	3.13473	2.70955	1.59707	1.28647	2.665
DUXA	0.0129064	0.0184511	0	0.0214773	0
SPRY1	5.8213	1.19722	3.26475	3.19959	1.25696
ALG1L9P	0.00993142	0.102135	0.270038	0.166632	0.0958254
SLC28A1	0	0	0.0295761	0.0202717	0
SLC34A3	0	0.0321581	0.0292074	0	0
ENO1-AS1	0.513589	0.714731	0.204965	0.423435	0.564031
CBR3-AS1	0.733992	1.47706	0.667041	0.416568	0.996679
IL17B	0	0.0795641	0.0726892	0	0
CREB3L2	4.40889	4.29101	4.39706	3.12755	3.37281
DNM1P35	0.179851	0.223365	0.298273	0.24076	0.114939
TACSTD2	0.0670631	0.0305303	0	0	0.0283086
DENND2D	0.0151454	0.0536689	0.0187973	0	0.0201579
IL1RAP	3.6307	4.59764	1.83128	1.49201	4.14522
PRCD	0.174396	0.108972	0.0982057	0.0678204	0.124758
PCDHB18	0.0193526	0.0550806	0.0238988	0.0160765	0.0519843
C6orf52	1.66791	1.67066	3.06793	1.02947	1.76842
IRAK2	1.45099	1.50849	0.922682	0.822015	1.10674
NOS1AP	0.15834	0.436521	0.236265	0.195527	0.253206
CBX3P2	0.245896	0.756967	0.286016	0.146059	0.529823
C12orf60	1.21738	1.60454	1.809	0.834458	0.998793
FHOD3	0.0710136	0.0592929	0.0464128	0.0632533	0.0207503
GABBR2	0	0.0282544	0	0	0.0196336
GNMT	0.52407	0.17466	0.314477	0.21782	0.199054
LRRN3	0.017328	0.00849498	0.0146682	0.009647	0.0080197
MORN5	0	0	0.150727	0	0.104722
DKK3	0.185892	0.115303	0.20515	0.155575	0.0665381
LCN2	0.116116	0.105378	0.0463765	0	0.0504052
RASA4CP	0.198849	0.223365	0.203186	0.0471409	0.23878
ENPEP	0.0381828	0.0247777	0.0592026	0.0283289	0.0411821
RHD	0.107402	0.183308	0.0536713	0.0539741	0.0507039
CLIP4	0.00527969	0.00787903	0.0271241	0.00886265	0
INSIG1	20.9965	15.8447	12.7965	9.77304	15.1423
HIF3A	0.00582483	0.00823267	0	0.00973956	0
CD82	2.91895	3.70757	2.01136	1.50786	2.99875
CALCRL	0	0	0.00847774	0	0
ZNF841	3.49569	2.44713	1.62079	1.82356	2.15783
LGALS9	0.206702	0.217002	0.148621	0.171223	0.151358
EYS	0.0307132	0.0133655	0.0069109	0.00907346	0.0100562
DDAH2	53.1063	56.9653	39.8673	25.9447	47.1989
HIST1H2AC	2.73148	5.11092	7.66818	3.21867	2.68725
DERL3	1.27572	2.67667	0.877752	0.631957	1.8283
MTRNR2L10	1.48859	2.00398	1.4402	0.818454	1.77977
RIMKLA	3.05608	3.77327	2.12521	1.28539	3.39029
ALDOC	254.501	256.184	143.209	99.6436	243.739
ARHGEF33	0.0114517	0.0163398	0.0287231	0.019035	0
REPS2	0.32397	0.430848	0.587557	0.172846	0.41905
ATXN1	0.3599	0.424614	0.376387	0.218714	0.351825
ARMCX2	0.11926	0.167255	0.135337	0.0330607	0.156883
SHISA7	0.0108627	0.0223478	0.00665665	0.0182273	0
HERC2P3	0.734575	0.640727	0.629706	0.435953	0.529102
NRP1	0.930353	1.37617	1.11344	0.510423	1.20758
AGSK1_LOC727849	0.386336	0.217764	0.345804	0.160523	0.315786
CXCL2	0.151092	0.685171	0.348336	0.291776	0.27233
KRTAP5-8	0	0.135392	0.04062	0	0.124074
SNORA44	3.62998	4.81051	0	5.91399	0
CLEC2B	0.278847	0.498069	0.0859976	0.112251	0.340205
MIR210HG	22.6083	18.1112	11.1965	10.9155	15.439
N4BP2L1	0.746205	0.691861	0.592697	0.569154	0.349426
NOXRED1	0.255736	0.116432	0.271339	0.180018	0.12749
HIST2H2BC	6.5662	9.57327	5.67588	4.18798	4.90894
FAM46A	0.281613	0.793211	0.341156	0.259502	0.494266
LOC115110	1.6607	1.27317	1.20017	1.03056	1.29352
LOC143666	1.31232	2.17227	1.05103	1.0727	1.247
DNAH11	0.00149831	0	0.0130876	0.00496913	0
CYP46A1	0.0380045	0.0506453	0.113671	0.0630976	0.0466762
HSPA5	227.023	264.967	250.672	135.879	227.45
HSP90B2P	0.0144184	0.0614951	0	0.0119231	0.0289825
FOSL2	8.76249	8.27123	3.97555	4.28118	6.83818
LCE1E	0.0305366	0.171277	0.225564	0.152657	0.0399654
TMEM191B	2.50386	2.35929	1.67366	1.14858	2.21059
RBP5	0.209892	0.18785	0.210681	0.115741	0.130465

C1orf110	0.208538	0.272767	0.354937	0.248151	0.157295
JSRP1	46.0634	37.9014	45.8016	23.7013	42.75
SLC5A12	0.00312961	0.00924974	0	0	0.00879266
ADAMTSL1	0.412315	0.88068	0.761029	0.420944	0.772768
C17orf74	0.666259	0.255202	0.834988	0.399471	0.552091
PARP10	6.0467	5.83552	5.11232	3.08929	6.11042
CAV1	7.42776	17.5521	9.04789	4.05175	15.3187
PARD6G-AS1	0.541257	0.597739	0.337762	0.53725	0.194767
PGPEP1L	0.0347662	0.0467337	0	0.057635	0
ASIC3	2.11084	1.89614	1.34898	1.64829	1.44811
ACSM3	0.427493	0.373996	0.370073	0.145335	0.272812
CD274	1.29423	1.13214	0.929907	0.94821	0.736748
ZNF550	0.115191	0.413937	0.475804	0.152373	0.441483
ANGPTL3	0.0176242	0	0	0	0.0125722
LINC00634	0.26306	0.541295	0.175855	0.243997	0.249482
BTC	0	0	0.0532658	0	0
NLRP3	0.198065	0.0872145	0.0688744	0.0529508	0.128733
TMSB4X	284.549	255.714	425.97	209.857	230.391
SYNE1	0.0205924	0.0153047	0.00681547	0.0117367	0.00613948
C4A,C4B	0.0180706	0.0323856	0	0	0.0149148
CLUHP3	0.579957	0.411746	0.429217	0.455999	0.357334
PRSS8	0.493053	0.53006	0.262443	0.265016	0.33866
RASGEF1B	0.0105607	0.135461	0.0262937	0.0525067	0.0704699
SNORD15B	13.187	26.4755	9.75331	5.32524	6.63128
SNORA23	3.65091	6.97034	4.49234	3.01491	6.69651
LIPG	0.150246	0.0539553	0.0624996	0.0417697	0.092902
LOC100499489	1.59705	3.80976	2.02976	0.982711	2.97167
CERS5	25.3443	29.1473	28.4315	17.3109	22.324
AGPAT4	0.563789	0.540878	0.489032	0.370409	0.454798
ZDHH8P1	1.12519	1.02576	1.04006	0.845955	0.901123
LNPEP	0.777019	0.584509	0.675269	0.425218	0.473822
FGL2	0.00926252	0	0	0	0.00663659
OR51B5	0.60479	0.424442	0.625333	0.469934	0.357791
EDARADD	0.764434	1.01348	0.781534	0.598346	0.671633
C11orf16	0.0148746	0.0401102	0.0181862	0	0
CSR2	43.4517	46.5168	31.2769	24.2952	42.467
CACNA2D1	0.173143	0.281047	0.136352	0.117084	0.257982
CCRL1	0.0694024	0.0282828	0.024369	0.0158582	0.0401742
ASPN	0.0177126	0	0	0	0.0127218
LOC100270746	2.22585	3.63672	3.56682	1.66421	2.88127
C19orf35	0.044242	0.0294244	0.0530701	0.0372761	0.0536758
C2orf15	1.7287	1.67685	1.74923	1.25456	1.4004
LINC00304	0.0884906	0.0237829	0.0850706	0.0887213	0.0217908
LINC00628	0.0459061	0.126648	0.0566102	0.0765895	0.0879318
UCN	3.58922	2.77508	5.07119	3.11441	2.88415
FRMD5	2.47748	2.94151	2.05865	1.24622	2.94873
MYB	1.71342	1.3433	1.01799	1.06307	1.18138
TUFT1	16.0526	18.9394	13.019	9.92387	15.2364
MPP7	0.319714	0.1439	0.212257	0.209511	0.159981
FAAH2	1.10502	1.18065	0.892678	0.764446	0.925223
TINCR	0.528493	0.247527	0.242173	0.210643	0.250692
GPRC5D	0.407962	0.529937	0.543517	0.566904	0.133601
AGSK1_LOC727849	0.0100326	0.0922078	0.0241653	0	0.0122638
TCP10L	0.942357	0.824397	0.747577	0.461895	0.937954
ANXA9	0.41857	0.585831	0.37006	0.213524	0.437936
C10orf12	1.08063	0.790178	0.465062	0.558045	0.698063
LINC00162	0.0620617	0.0817346	0	0.103197	0
MAGI3	0.519179	0.434582	0.501022	0.311093	0.411684
PIPSL	0.020317	0	0.00833248	0	0.0087606
FOXP3	3.2008	4.12646	3.01643	1.96424	3.25287
DOC2GP	0.109673	0	0.26407	0	0.270461
CCDC167	32.7046	26.5343	26.0828	19.6715	21.3418
INSIG2	22.1629	18.7178	9.3693	9.82119	19.3644
TUBB1	0.058081	0.236728	0.0449594	0.0844148	0.0966739
HOXA1	1.90608	1.68384	1.85727	1.3561	1.23625
CCDC19	0.183737	0.192965	0.138341	0.108569	0.120394
SERPINC1	0.0173091	0.0953469	0	0.0287028	0.0221521
DEGS2	0.038885	0.153807	0.0916376	0.0648849	0.140781
MYO7A	0.167045	0.232486	0.141683	0.0879132	0.166048
TRIM5	2.89126	2.23287	2.41743	1.63845	1.98905
TNFAIP3	0.580732	1.05603	0.340716	0.345168	0.847781
COL6A6	0.00254079	0.00357767	0.00630714	0	0
F3	4.09314	4.4228	2.04121	2.26985	3.7066
FABP2	0.0182756	0	0	0	0.0132718
LHPP	14.0111	11.6613	10.5927	6.30591	11.8683
LOC286190	0.0113302	0.0168294	0	0	0
PKLR	0.700725	0.627355	0.481607	0.549906	0.357203
DDC	0.0330148	0.0228866	0.040456	0.0273156	0.0426548
GGN12-AS1	0.10746	0.0461537	0.0805405	0.107342	0.043273

LOC730668	0.0227934	0.0833102	0.037285	0.025392	0.0386222
CDRT1	0.0343595	0.0958687	0.0527574	0.0427419	0.0447639
TSPAN15	7.89714	7.85906	6.67211	4.91347	7.01499
TAGLN2	73.5242	127.997	72.0992	49.9361	88.4369
PFKFB4	73.7189	81.9505	35.6811	32.865	75.7688
ANGPT4	0	0	0.0433135	0	0
SNORA64	13.9924	9.40851	8.36417	5.60338	4.92431
LINC00622	0.194916	0.113933	0.251659	0.100986	0.170735
HIST1H4K	0.849035	0	0	0	0.258341
PROM1	0.0351761	0.0255164	0.00732815	0	0.00801445
CD74	0	0	0.0566653	0	0
LOC339666	0	0.217879	0.127839	0	0.0679859
ERVFRD-1	0.0153605	0.0437921	0.0191902	0.0128689	0.0305119
GSTM1	31.8207	47.4929	26.8288	16.9518	44.1765
CES4A	0	0	0.0534532	0.0207269	0.0182276
SVIP	7.06035	8.12527	7.10911	4.85587	6.77621
TMEM121	1.13221	1.3889	1.39717	0.956861	1.32377
ETV2	0.499327	0.649138	0.420831	0.414756	0.29837
C17orf50	0.069205	0.0891879	0	0.115203	0
FDP2L2A	0.0635483	0.0478237	0.0241473	0.0325165	0.0319549
KCP	0.00961603	0.0125421	0.0347018	0.0413952	0
LRRC33	0.150575	0.133882	0.100179	0.111418	0.082043
SPAG4	26.4362	30.5241	25.0573	12.9573	28.8288
CALR3	0.0205098	0.028511	0	0	0
LOC283177	0.0184888	0.0130096	0.0346106	0	0.0485103
HILPDA	44.7419	38.2793	23.0664	22.8467	34.0768
SLC29A1	90.4921	84.6935	78.7107	60.6885	67.416
NPPA	0.408484	0.183443	0.165142	0.22642	0.167645
KCNMB3	0.706905	0.581804	0.726919	0.56174	0.467552
NEK10	0.00828846	0.0238347	0.0208018	0.0275816	0.0111518
HTRA1	0.231451	0.582142	0.367703	0.236001	0.382427
PFN1P2	0.820818	0.444277	0.329543	0.520695	0.344862
GRIP2	0.100229	0.0677458	0.0793507	0.089711	0.0577684
BOLA3-AS1	4.81024	4.69891	3.9136	3.03668	3.51353
DLEU2	0.227917	0.136314	0.307983	0.220261	0.10394
LOC154761	3.02707	2.37558	1.48854	1.18819	2.39398
SCD	102.604	161.417	65.7619	54.8859	132.973
ZNF829	0.00751472	0.0108954	0.00475529	0	0.0103361
ARL6	1.20943	1.00383	1.20445	0.804453	0.951214
LOC100128361	0.603575	0.530867	0.635679	0.50412	0.360229
RPL23AP64	0.416535	0.212973	0.190903	0	0.330298
GAS1	0.44532	1.10837	0.423173	0.361043	0.793504
LOC440356	0.279656	0.226641	0.204991	0.186081	0.139163
CREB5	3.77958	3.74749	2.93691	2.2468	3.48554
LOC283038	0.0370248	0.0644281	0.0559535	0.0123064	0.050546
TLR1	0.0762949	0.089647	0.0193585	0.0634182	0.0318028
MAP7D2	0.0487385	0.0598882	0.030334	0.0403962	0.0403071
C17orf78	0.0117923	0.0167992	0	0	0
RUND3A	0.927725	1.38263	0.620427	0.479184	0.99478
ZDHC15	0.0035659	0	0.00455572	0.00596468	0
LDHC	0.0377032	0.0274857	0.166909	0	0.104091
LOC100505738,MIR4458	2.5272	4.1118	2.78022	1.72445	2.92697
RASD1	0	0.36891	0.0392556	0.0549132	0.18967
NIPAL1	0.173583	0.142028	0.150659	0.12665	0.178488
PLEKHG4B	0.00254321	0.0103037	0	0	0.00950901
FXYD1	1.47498	1.50339	1.75587	1.42967	0.856582
ATL1	0.512702	0.945768	0.574802	0.380521	0.611868
TMTC2	0.288333	0.150858	0.250371	0.182568	0.202118
KBTBD3	0.688544	0.901718	0.605648	0.334683	0.826387
CDKN2C	21.2074	20.4618	10.7191	10.0239	20.1314
MARCH1	0.224758	0.318517	0.154778	0.182727	0.21869
ZNF274	0.0223233	0.0609091	0.0819272	0.0739159	0.0479628
HFE2	0.0170324	0.024635	0	0	0
TPPP3	0.0375478	0.242008	0.222811	0	0.179118
SNX33	42.5386	35.614	19.0777	20.7513	31.6236
GEMIN8P4	0.904205	1.1932	1.46515	0.752235	0.877101
GLUD2	0	0.0319685	0.028199	0	0.0446133
PLA2G3	0.0120409	0	0.0440797	0.0201575	0
FOXD4L1	0.292861	0.29597	0.796384	0.163513	0.390652
JAK2	0.432423	0.409771	0.348344	0.282772	0.335685
C3orf20	0	0.0262591	0.0118092	0.0160497	0.0121044
MAP1LC3C	0.7451	0.498508	1.21673	0.41247	0.532114
TSSK6	1.1714	1.32527	2.56483	0.978186	1.26997
HIST1H3G	1.50618	1.37489	1.24762	0.992916	1.29012
CPEB2	0.221996	0.266342	0.220796	0.205953	0.204525
TAGLN	45.3046	77.7449	46.369	20.5851	74.5437
RTN4	127.043	133.005	160.235	98.0428	114.41
BEAN1	0.224107	0.309549	0.233478	0.157126	0.259828
RAB20	41.9901	29.4276	20.6411	20.6761	30.6951

RNF144B	0.166186	0.202034	0.250718	0.10742	0.244557
CCDC171	0.740156	0.375895	0.551086	0.49697	0.335701
PHF19	96.1644	101.41	83.6011	63.6628	81.2048
RAET1G	0.895994	0.783745	0.24423	0.334342	0.792951
CDH5	0.00692624	0.00941909	0	0	0
FAM63B	0.779749	0.467251	0.387166	0.340343	0.549977
SEPT4	0.31764	0.559549	0.402419	0.220582	0.443217
PHF1	35.887	42.1985	28.5608	22.4014	35.0343
PDE5A	0.506687	0.494405	0.356227	0.319673	0.441758
ING2	13.5999	13.3585	7.31853	7.98537	12.117
CLK3	31.1379	24.475	15.9641	16.3311	20.8212
FABP5P3	0.0331233	0	0.0405637	0.0546884	0
AMZ1	0.00774105	0.0104283	0	0	0
NEU3	0.450189	0.65949	0.605854	0.552341	0.479878
HOXA11-AS	2.41499	2.63656	3.19237	2.12867	2.38173
SEMA3D	4.25072	4.32452	4.7427	2.64232	4.63065
HEIH	0.0250483	0.101106	0.0302249	0.0414301	0.0313017
LRRC26	6.29838	7.44371	5.96347	5.74605	5.05588
HIPK3	0.403115	0.389825	0.413105	0.254053	0.341045
HIST1H2BM	0	0	0.282104	0	0
XKR6	0.265219	0.134506	0.1668	0.0917475	0.136069
MANF	99.3504	93.1577	89.338	59.2053	79.7078
SMIM1	5.24838	8.15806	6.47432	3.40343	4.90957
GADD45G	1.62346	3.46832	0.808183	1.25202	1.978
TBX19	0.773516	0.901113	0.35685	0.368119	0.843804
ADORA2A	1.92114	1.50136	1.62578	1.16102	1.37016
C1orf51	0.698578	0.787905	0.656784	0.748945	0.704478
EFNA5	1.14356	1.14952	1.09115	0.592593	1.32741
NRGN	24.0002	20.0321	14.008	16.1724	17.6427
SLC43A3	0.349442	0.259281	0.200614	0.154929	0.285568
HLA-DRB1	0.0549534	0.0371824	0.0331512	0.0455221	0
CDKL2	0.158593	0.236558	0.170651	0.100389	0.207491
LINC00671	0.0164944	0	0.020272	0.0274186	0
FAM160A1	1.82806	2.41394	1.09026	0.934511	2.10165
IFI6	4.53734	4.30668	4.5089	3.94622	2.52087
IL34	0	0.0581033	0.0262571	0.0366322	0.0265202
THAP8	4.14622	5.40631	2.96143	3.41877	2.97589
LOC100129917	0.23295	0.320984	0.306672	0.284145	0.320407
HCAR2	0.0146821	0	0.0179813	0.0243749	0
ADAM11	4.6044	1.92246	3.48797	2.88414	2.05765
DUSP8	7.50939	7.1482	4.4487	4.59157	5.59474
CDADC1	1.81526	2.44982	1.84956	1.27552	1.78296
C1orf192	0.0390705	0.161975	0	0	0.151462
SOX2-OT	1.05116	2.12613	1.10563	0.552005	1.98287
KLF9	1.1159	2.09356	1.40825	0.89571	1.70855
OSBPL10	10.4952	9.22006	7.10233	6.12143	8.39578
MICALCL	0.292599	0.251184	0.348256	0.241792	0.23384
RFTN2	0.0282565	0.0208893	0.0450423	0.035413	0.00985546
FAM167B	0.971062	0.786725	1.14544	0.763401	0.617979
SGPP1	4.15597	4.26061	5.99043	3.5184	3.6081
COX17	115.257	103.461	115.667	69.7066	73.8885
PNKD	57.5452	62.8742	48.545	33.2734	53.1
IRS1	0.405432	0.806837	0.480181	0.411746	0.486034
LINC00696	0.00930909	0	0.0113368	0.0154834	0
FAM219A	13.072	12.7007	7.8822	7.66667	11.0886
TMEM8B	6.65446	5.92427	4.49157	3.74123	5.69199
PIAS1	6.39812	3.94587	5.16074	3.92682	3.7754
KCNE1L	0.585524	0.416401	0.78035	0.767303	0.193016
GPRC5A	11.6557	16.2613	6.01609	7.42729	13.0595
ACTA1	0.551978	0.361336	0.758239	0.559829	0.329546
SERHL	0.0245602	0	0.0298068	0.0408187	0
RIMBP3	0.048154	0.108698	0.0329538	0.0573004	0.0498395
NRN1	39.4469	46.2364	30.5237	20.5963	43.1469
VPS9D1	2.49407	2.73909	2.58963	2.07831	2.50949
LOC100506195	0.0447291	0.0117766	0.0560028	0.055211	0.0295182
PCSK5	2.29917	1.89739	1.37561	1.09102	1.92588
FGD6	0.119552	0.0749082	0.112831	0.0554884	0.104703
PAX6	0.103871	0.0978952	0.0923127	0.0840499	0.0755558
LOC285819	0.366159	0.453146	0.342316	0.277199	0.368712
DNAJB4	3.27169	5.04468	2.49921	1.88839	4.10814
SFTPB	0.0435564	0.029979	0	0.0416445	0.0137593
SNORA26	0	39.6978	0	0	8.28529
LOC728875	0.158803	0.0709127	0.253056	0.0873443	0
C3orf45	0.0221106	0	0.0270939	0.0370143	0
EGFR	1.39876	1.55003	1.08509	0.923455	1.30062
LHX3	0.56602	0.434422	0.36499	0.182005	0.507409
SPDYE5	0.112189	0.194694	0.232971	0.189001	0.126763
P2RY1	0.0561174	0.135545	0.0825324	0.0467746	0.0769557
LOC150381	3.48025	5.62606	3.59093	2.45527	4.28875

HOXA4	5.42404	6.79957	4.52165	3.60855	5.65933
PLOD1	127.199	154.661	100.712	79.0421	124.595
PER1	9.24081	6.81886	4.45326	5.0967	6.75524
FRZB	0.0473618	0	0.0120408	0.0318103	0.0130638
LPAL2	0.182785	0.385948	0.193096	0.16152	0.201427
SEMA3C	0.362312	0.502259	0.250902	0.221076	0.479084
FGD4	0.134455	0.0492253	0.121169	0.0474119	0.06011
PLEKHH3	12.328	15.0547	11.1251	7.84887	13.9584
SEMA3A	1.86095	2.07016	1.49497	0.972621	2.13229
DDR2	0.160736	0.0854644	0.141717	0.114945	0.138327
PMS2P4	1.54196	1.40331	1.3595	0.834641	1.23567
PRSS12	2.04156	1.87676	1.52987	1.19148	1.76076
HOXD4	1.34395	0.69999	1.32554	0.972035	0.56619
WHSC1	15.3178	11.8739	13.9847	10.7523	10.7139
TULP1	0.0566537	0.145991	0.0670011	0.0623289	0.0448835
OTOA	0.0534383	0.0440735	0.0915067	0.0355547	0.0135913
MAP3K9	0.633408	0.716058	0.353787	0.300698	0.656088
TBC1D3	0.17692	0.216026	0.288991	0.106714	0.159908
CNGA4	0.118846	0.0456289	0.040846	0.0844043	0.0418353
MST1	2.24855	2.77933	1.40306	1.46357	2.51802
TP53TG1	5.86505	9.33198	5.73067	3.48357	7.66901
ZNF821	5.41043	6.99908	4.81255	3.43126	5.98854
ABHD12B	0.0499353	0.0717114	0.0419287	0.0278925	0.0669304
MLLT3	4.55514	4.84693	3.04016	2.21512	4.83113
ARAF	25.6468	27.8461	17.4915	16.9636	22.1286
EFCAB5	0.0101216	0.0428707	0.0282103	0.0166218	0.0362946
ROCK1P1	0.543584	0.420158	0.504144	0.369786	0.363574
FNDC3B	2.75481	1.79615	2.2255	1.69041	1.66919
MAPRE3	1.59595	1.83236	0.792527	1.27662	1.29142
MLK7-AS1	0.0559873	0.0533884	0.0464794	0.0308838	0.0879337
GMPR	20.229	15.4056	15.8841	12.9551	14.2197
ZNF878	0.16784	0.513583	0.290446	0.342256	0.189941
PGF	21.519	21.5924	13.7912	14.7342	16.0248
ZNF414	15.1068	16.4844	11.4841	9.59279	12.7636
MBD5	0.220034	0.181496	0.194224	0.137539	0.187906
SLC22A31	0.102704	0.0341519	0.123452	0.0433174	0.155541
SEC24D	5.06666	3.5746	3.27222	2.79571	3.54301
SPINK1	0.245565	0.114386	0.10061	0.13541	0.216207
LINC00672	0.0761228	0.197474	0.111416	0.0784152	0.163353
TECTA	0.0490555	0.0733054	0.0761291	0.0595747	0.084229
CCDC144C	0.0129429	0.00607601	0.00538714	0.00708967	0.0115604
LINC00273	0.112947	0.0709752	0.0651636	0.0941692	0
TENM3	0.251331	0.201356	0.186988	0.191384	0.199552
MATN1-AS1	1.21392	1.51626	1.17907	0.771278	1.17947
GSDMB	2.60545	2.63568	1.56584	1.64225	1.89686
ASH1L-AS1	1.55267	3.43702	2.21846	1.53756	2.60882
SEMA6A	0.0704423	0.0264865	0.0741119	0.0433873	0.054451
HMSD	7.46849	4.76643	5.69643	5.13025	4.69504
HP07349	2.81244	3.89251	5.42071	4.09235	2.77424
LELC3B	2.141	1.56764	1.50027	1.14952	0.762621
PDLIM2	167.207	178.399	137.779	94.137	158.3
CHST7	1.76095	1.16876	1.31392	1.21199	1.10917
SMAD3	4.64775	5.02355	5.09335	3.04254	4.49306
QLAH	0.0443724	0	0.07401	0.0245016	0.0398874
TK1	131.436	135.656	106.416	93.5943	109.383
LPCAT3	10.9541	15.8258	8.7667	7.2778	12.8909
ZNF461	0.559947	0.626967	0.3709	0.452163	0.492543
RORA	1.96327	1.9455	1.14512	0.971175	1.83942
CTDSP1	42.853	47.5836	47.1715	31.2145	34.7851
HRASLS	0.200097	0.184751	0.289891	0.16828	0.172494
LCE1C	0.0755342	0	0.265982	0	0
CHRNA	0.0821906	0.0220412	0.0198396	0.0548877	0.0402342
GGN	1.01161	0.912895	0.715254	0.509691	1.11063
TXNDC16	0.693135	0.763792	0.446454	0.400976	0.68381
BHLHE41	5.20702	3.14205	2.80359	2.84255	2.87486
TET1	0.0112912	0.0164233	0.00573122	0	0.0217019
ANKRD45	0.017717	0	0.0225511	0.0148273	0
CXorf57	1.97445	1.70178	1.68478	1.20867	1.66435
C14orf105	0.0253102	0	0.0315545	0.0138818	0
PRDM10	2.02074	1.39506	0.982279	1.01688	1.16107
ZNF620	0.486594	0.886565	0.574527	0.469607	0.560492
FBLN5	3.45692	3.4028	3.06927	2.34612	3.17281
EFEMP2	4.70931	3.46076	1.48548	2.07348	3.89529
LLGL2	41.9477	38.9097	31.4235	27.3666	32.3042
LOC113230	5.27388	6.19615	4.14771	4.12147	3.9913
P4HA2	37.3015	39.4899	28.1926	19.7529	40.767
RAET1K	1.5633	2.27091	2.06216	1.49384	1.58603
HMGNS	3.6912	3.18694	1.61165	2.67203	2.64974
EEF1A2	0.0534551	0.0679814	0	0	0.0939537

PPP5D1	0.225666	0.1287	0.168855	0.113292	0.210619
STAC3	0.703582	0.630934	0.764086	0.807802	0.493997
DFNA5	0.0237067	0	0.0146588	0	0.029689
ARHGAP42	0.466997	0.226162	0.344913	0.298298	0.338198
LINC00115	2.15014	1.83942	2.11544	1.36447	1.50768
RBM44	0.120543	0.152083	0.0916178	0.0594388	0.15787
ZNF154	0.0475994	0.102434	0.0197803	0.0529542	0.0640112
HIST1H2AK	0.140954	0.363672	0.325433	0.230065	0.171766
RNF122	5.70728	4.71128	2.72818	3.44278	4.01308
AATK	0.701042	0.78029	0.404003	0.436497	0.604356
DBP	20.8307	23.0181	12.871	13.5711	17.6732
RALGFS2	2.98269	2.66811	2.4046	1.83361	2.40445
AXDND1	1.09935	0.938353	0.596547	0.696032	0.779257
CD163L1	0.282957	0.175149	0.143425	0.108283	0.168813
C9orf163	0.410059	0.447781	0.562207	0.530835	0.272755
GPR18	0.0186545	0.0542619	0	0.031093	0.0252937
ACSBG2	0.0246134	0.0456825	0.0101385	0.0407668	0.0214129
C12orf73	3.86105	3.34258	3.27594	2.49863	2.63608
C1orf114	0.0108284	0.0604191	0.0134181	0.0176706	0.0288385
PCYOX1	5.60958	8.40622	5.27382	3.98082	6.6617
CLUL1	0.0774321	0.0316451	0.0277385	0.036701	0.0297961
HIST1H2AI	1.15746	0.925374	1.1807	0.711161	0.343713
LMBR1L	13.3505	14.8936	10.3378	9.53565	11.8536
LOC100131434	0.0227782	0.0980457	0.0284758	0.0190568	0.0764086
RDH16	0.28024	0.430812	0.100739	0.302768	0.210054
HYAL1	0.0214096	0.0294493	0.0788864	0.0357079	0.0270249
LMTK3	0.742605	0.613056	0.680738	0.49578	0.592004
RPSAP52	2.10725	2.37727	3.04169	1.79743	1.62485
FAM19A3	1.42093	0.881743	1.30968	1.02011	0.856629
SEC14L1P1	0.135048	0.334556	0.294623	0.138125	0.271062
PYY2	1.16004	0.73274	1.38549	1.29603	0.470834
RASSF2	0.030884	0	0.016457	0.00734533	0.00582224
CTSL2	3.11486	2.25479	2.55878	2.17826	1.96091
PMS2CL	3.83598	2.92069	2.56297	2.27953	2.74615
ARTN	0.110352	0.383897	0.260435	0.183914	0.185449
ZNF204P	2.08443	2.09011	1.57643	1.81128	1.70727
IL20RB	0.177208	0.196369	0.203495	0.157032	0.0607078
CAPN5	8.79437	6.56108	4.82688	5.31881	6.56401
PVRL3	1.39981	1.60554	1.48029	0.89019	1.58929
SLC44A3	0.86177	0.971191	0.908661	0.663614	0.959254
YY1P2	0.0812752	0.0516468	0.0594648	0.116646	0.0325017
IQSEC2	9.45534	9.0425	7.65571	6.07198	6.79747
FLJ42709	0.380939	0.560132	0.510156	0.244833	0.418555
SCARNA10	0.806726	2.13825	1.00341	1.11263	0.754104
ZNF717	0.150856	0.171175	0.181968	0.104572	0.15243
PC	1.59505	1.40405	2.09383	1.19096	1.47184
MAPK8IP1	1.00181	1.13485	1.0289	0.754446	0.851535
LYSMD1	2.53895	1.84012	2.27737	1.96177	1.32203
ILK	82.5705	79.3279	77.0516	54.5557	72.8816
SEMA4B	17.9814	19.5304	11.6074	11.3824	15.8512
TMEM53	2.26727	2.73787	2.30784	1.84337	2.51839
MIER2	17.3503	13.4455	16.904	12.3644	12.1492
SH3BGR12	1.77805	1.72755	1.68255	1.2205	1.42247
LINC00565	0.64517	0.327429	0.647782	0.462634	0.174389
GLCC1	1.13201	1.01603	0.856213	0.748511	1.05926
KLF5	1.64262	2.23334	1.92145	1.13965	2.14972
STARD5	2.01552	2.40776	1.31726	1.40796	2.07602
CLDN23	1.19647	0.514101	0.689767	0.579489	0.87079
HS3ST3B1	0.0797744	0.400993	0.354555	0.354553	0.202221
HSH2D	0.514416	0.355433	0.319463	0.333897	0.374127
LOC100292680	0.0585364	0	0.0359049	0.0733936	0
SMIM14	1.11926	2.28727	1.63641	1.17411	1.67455
NRM	32.2883	29.1474	25.7966	23.8143	25.8094
SLC23A1	0.0137995	0.0191006	0.0503953	0.0229206	0.0177488
DHCR7	53.3729	41.478	36.5352	32.229	39.3187
SULF1	0.0239784	0.0342382	0.00999579	0.0265717	0.0053815
PYGM	0.00999136	0.0937166	0.0842527	0.0332908	0.0613291
FAM209A	0.153181	0.282319	0.125429	0.0844049	0.264956
HSD17B7P2	1.49588	1.02076	0.708115	1.20801	0.701537
KIRREL	0.888799	1.35854	0.688337	0.702349	0.890073
AP1M2	4.53659	2.72186	4.01833	2.97587	2.74041
LRI73	0.141381	0.0941331	0.11406	0.139295	0.053214
KDM5B-AS1	27.8232	35.1039	19.1878	13.6049	33.9866
KLHL36	16.4598	12.7838	10.2178	8.79413	12.3774
RFPL3S	2.37683	1.4883	2.33361	1.68432	1.65614
KLF11	1.61859	3.01755	1.49243	1.20954	2.33228
FOXJ2	2.67808	2.69777	2.51021	1.9835	2.36574
CCDC28B	11.6902	12.3825	6.83461	7.62798	11.1965
SYNGR4	0.140446	0.124848	0.111352	0.15535	0.0577722

ANKRD36B	0.378161	0.536212	0.25903	0.309149	0.443227
REC8	0.793901	0.576908	0.675014	0.615596	0.596687
LOC400043	0.326754	0.225813	0.0336424	0.137242	0.274437
SCARF2	2.83476	1.66417	1.62479	1.50981	1.75801
RASGRP3	0.0299169	0.0216976	0.0749493	0.049886	0.0136219
KCNK3	0.00926371	0.0252304	0	0.0155	0.0115705
MGAT4A	1.23285	0.987282	1.16624	0.738554	0.936788
IGFLR1	3.32322	5.0115	2.86072	3.24369	3.53706
TEC	1.36666	1.28562	0.857637	0.700936	1.2765
PLA2G4A	1.51329	1.83383	1.32882	0.63843	2.24486
OBSCN	0.912759	1.1364	0.782753	0.712718	0.987207
SNTA1	18.0693	19.4735	14.8661	10.4276	18.8697
CLVS1	0.0353008	0.0343799	0.014945	0	0.0243181
LYPD5	0.605468	0.486361	0.374271	0.330624	0.552863
MGC12916	4.30206	4.36957	2.19772	2.46473	3.86652
ACBD7	1.63331	1.84059	2.55513	1.44555	1.95384
C2orf48	2.68544	1.34714	2.84138	1.74715	1.28662
TMEM81	3.49167	3.72211	2.91209	3.02303	2.20207
CRTC2	21.9237	20.9849	17.4334	15.5709	16.7426
HSD17B8	6.95717	9.933	6.42883	5.58918	8.04115
LOC100505666	0.922121	1.3233	0.888898	0.611987	1.19587
DFNB31	16.6717	20.9564	10.7252	11.5163	17.4871
ESRRB	0.200515	0.310985	0.116578	0.11127	0.131643
WDTC1	1.63953	1.39328	1.39207	1.373	1.16701
MAP2	0.170351	0.0960256	0.0719952	0.10905	0.0424105
CAND2	0.0452384	0.109317	0.0765849	0.0302847	0.0886751
BTN3A1	2.40338	1.68024	1.09589	1.34566	1.63345
SLC9C1	0.00467734	0	0.00601326	0	0
ZNF469	0.0230538	0.00428836	0.0117454	0.00549569	0.0196338
DUOX1	0.0377125	0.0509008	0.045542	0.0525078	0.0311595
ZFAND2B	33.1293	31.084	28.1498	23.6529	23.9698
C11orf68	76.638	63.9535	63.2871	56.2223	52.5274
FAM115C	2.52137	2.40185	1.17243	1.23774	2.48454
LOC100505695	2.1529	2.88267	5.08164	2.44133	2.36758
PCIF1	14.2162	15.0943	11.1094	9.84596	12.6481
LOC728228	0.0581485	0.23993	0.141067	0.0962321	0.147615
HCG25	0.215321	0.351099	0.312644	0.141654	0.327196
DEPTOR	0.697961	1.07328	0.759308	0.5988	0.775746
SLC7A5P2	0.430334	0.471606	0.487951	0.385752	0.278982
FUT11	5.59233	5.29597	2.54503	3.18837	4.80613
RYR2	0.159588	0.107654	0.245598	0.149258	0.105973
UTS2	7.63386	5.80793	5.19039	4.95732	4.32496
LIPE	4.10806	2.98871	4.11924	3.30983	2.21514
C2orf82	5.01491	5.9471	5.66498	4.61086	4.46568
LOC100131257	0.00366111	0.00400478	0.00465379	0.00305193	0.00504975
MTRNR2L5	0.0122327	0	0.0155924	0	0
SNORA80B	3.06806	8.29982	7.35421	5.02149	4.25871
GJC1	10.8616	4.94735	11.1276	7.44278	6.08785
KIF12	1.01388	1.55493	1.03184	0.830515	1.21878
ASB4	0.00534899	0	0.00680282	0	0
KNDC1	1.11087	1.25514	1.01451	0.790813	1.15131
GCHFR	95.6207	85.5614	71.5046	53.706	87.1219
SH2D3A	8.5841	7.35549	8.44834	6.72188	6.28627
ETV1	0.71256	0.666059	0.607511	0.518109	0.604944
BTD	1.44295	1.78674	1.25851	1.14587	1.36712
SDF2L1	79.5963	89.9449	75.1987	61.6482	75.3874
GAMT	0.213887	0.281167	0.254116	0.0712172	0.227609
FRRS1	0.630853	0.489295	0.390849	0.252205	0.517581
FOXP4	11.184	10.2416	11.1167	8.67492	8.59101
TMEM163	0.0639725	0	0.0599445	0.026767	0.0429468
MAGT1	9.35337	10.2637	10.1956	6.99573	9.16418
SPINT1	56.8099	53.4606	51.142	39.9013	46.5651
USPL1	3.19383	3.3248	3.06144	2.38507	2.882
TMSB10	6097.46	7120.22	5235.79	3684.44	6081.83
FAM63A	7.5396	6.91968	4.91371	4.84932	5.32615
PDGFRL	4.88035	5.56307	5.17571	3.19303	5.17307
KLHL25	3.18119	4.41508	3.1604	2.86449	3.027
KDM4A-AS1	0.552924	0.603751	0.45521	0.418397	0.47681
PPP1R3F	0.626237	0.406571	1.12189	0.592607	0.54696
TLR9	0.0310036	0.0138285	0	0.0173712	0
RFX2	3.56983	3.14082	3.03514	2.46644	2.77824
SLC22A11	0.0163449	0	0.0197085	0	0
LOC100616530	0.381631	0.184088	0.165581	0.28014	0
MGAT5B	2.84804	5.2257	1.83918	1.2696	4.84049
IRF7	0.0786955	0.0647522	0.0622158	0.0878296	0.0299478
NT5E	0.402673	1.24041	0.925796	0.507899	0.942465
LRRC3	1.34925	2.29895	1.31579	1.19187	1.75608
KIAA1244	3.75153	3.60011	2.53165	2.04778	3.57753
RBAK,RBAK-LOC389458	44.169	40.8562	37.2312	30.7897	39.7079

SNAPC3	4.3022	2.76973	3.01723	2.63896	2.74075
F2R	0.902883	1.02396	0.816768	0.500934	0.998295
ZNF488	0.356981	0.218585	0.327506	0.263615	0.233081
FEM1B	1.34178	2.54001	1.05137	0.803342	2.19444
RTN4R	23.9399	15.9742	20.2135	16.7926	16.3505
CMPK2	0.306283	0.590792	0.302295	0.287583	0.444555
GAD1	10.4012	12.7983	8.12717	5.74445	11.5717
CPEB3	0.280979	0.209285	0.116761	0.180842	0.112811
LONRF1	4.28925	2.5088	4.71722	2.75859	2.3004
ZCCHC2	1.90035	1.58842	1.43092	1.29449	1.40948
FRAS1	1.14245	1.20193	0.963709	0.779613	1.22549
ZNF284	1.22925	0.690836	0.872437	0.71499	0.542131
FGF18	0.403292	0.355715	0.416316	0.502908	0.255786
FP588	0.192838	0.192069	0.20419	0.161054	0.153007
KCNJ14	0.530128	0.611813	0.903176	0.483331	0.7008
ESAM	10.1385	9.71861	10.2302	7.22481	9.04416
ATOH7	0.213574	0.17236	0.263359	0.152069	0.202319
ZNRF2	1.47283	1.06518	1.42067	0.880432	0.91587
CDK2AP2	57.124	48.6622	54.6081	39.1443	45.3499
ARPC5	25.9085	28.1307	30.4575	21.4454	23.2019
SMPDL3B	1.20605	2.44565	1.71659	1.13363	2.04904
NRSN2	0.273636	0.371353	0.313982	0.253993	0.322124
HK3	0.0243756	0.0161926	0.0292297	0.0407453	0.014769
FLJ43681	0.764887	0.601923	0.880241	0.597306	0.700835
CRYM-AS1	0.157295	0.116518	0.298809	0.0562571	0.1584
LOC100133957	2.33804	2.02833	3.05076	2.16313	1.77003
IFITM1	1.82	1.14638	1.3006	1.11857	1.45844
RGS12	2.59335	2.62385	2.31459	2.02591	2.14493
VPS37D	26.2639	24.8365	19.019	14.9025	23.4754
BTN3A3	1.45145	1.37556	0.794577	0.954346	1.29185
E2F8	1.57443	1.30849	1.17251	1.21494	1.33024
PRH2	0.0242723	0.00979245	0.0168918	0.0109832	0.0208718
SGOL1-AS1	2.42662	1.25148	1.42866	1.19969	1.30793
CBWD2	1.75169	1.6806	1.91538	1.48596	1.50109
PRORS1P	0.301309	0.988741	0.434717	0.391941	0.687792
ETNK2	1.12035	1.79571	1.42854	1.00997	1.47249
SNORA74A	1.40192	1.94645	0	0	1.85265
ACAP1	0.679376	0.89707	0.585133	0.474489	0.544752
KIAA1467	2.02161	1.70894	1.62389	1.10972	1.70852
ALDOA	4724.14	5806.13	4026.84	2919.42	4900.81
SH3D21	6.3254	8.2068	4.10084	3.79403	7.62055
MFGE8	16.5648	14.0397	18.0364	12.7599	12.6304
WTIP	3.10495	1.36716	1.48391	1.69626	1.59507
THRA	10.6063	9.71736	8.62466	8.03414	8.39089
OXCT2	1.84981	2.21863	1.52926	1.51419	1.8921
SLC16A4	0.0968886	0.181645	0.0774834	0.122878	0.139695
LOC729970	2.13537	2.34115	1.91962	1.26596	2.05359
FUZ	3.4298	1.92925	2.9446	2.45217	2.37566
MSS51	0.975295	0.623934	0.787401	0.713676	0.486194
IFLTD1	0.0279477	0	0.0234726	0.0155198	0.0256264
JUND	125.985	163.078	116.918	90.9908	143.043
CCDC154	0.551104	0.221889	0.487179	0.326852	0.381693
LOC220729	1.16539	1.5984	1.1767	0.805931	1.40253
CRISPLD2	0.0478568	0.0588254	0.0221997	0.0299735	0.0626561
MSMO1	28.3035	20.4978	22.1044	17.8278	22.166
HKDC1	0.501815	0.76541	2.15753	1.09084	0.520897
CYBB	0.0296456	0.0578748	0.0502248	0.0247224	0.0413106
BEX5	14.1749	15.1406	14.0404	10.9968	11.9797
C19orf81	1.80526	1.48295	1.44025	0.817616	1.56734
TIGD3	1.94487	3.69534	2.27406	1.65663	2.99837
SYTL2	0.817844	0.953929	0.729062	0.51461	1.05621
BRIP1	2.203	1.34753	2.01301	1.53715	1.29139
SAP30	62.5089	52.8447	32.3203	34.5066	55.0783
POU2F2	0.114054	0.116437	0.0886545	0.0922198	0.0811002
TMEM170A	5.2578	5.45907	4.79976	2.64219	5.42832
IFIT3	0.367662	0.386002	0.216683	0.151924	0.351358
C20orf196	2.8592	1.93808	2.54887	1.94276	1.61907
PLAT	0.936699	1.2593	0.849209	0.84065	1.02922
RNF157	0.457357	0.744657	0.608392	0.371413	0.668226
FGFBP3	1.86708	2.18955	1.76029	1.4692	1.74344
MT1JP	1.97101	1.82642	1.82096	2.00204	1.72242
ANKRD50	1.25538	1.33139	0.989788	0.882412	1.14833
TMPO-AS1	1.07167	1.8857	1.2826	1.24874	1.27869
SAT2	138.188	144.282	122.169	104.637	103.833
DBIL5P	0.106462	0.271286	0.361145	0.177037	0.197542
NMU	19.3455	23.0382	17.9201	13.8455	18.8219
TBC1D28	0.0571437	0.078405	0	0.0475281	0.0361418
DNAJC3	7.19939	6.74138	6.6436	4.77703	6.72288
TNFRSF8	0.378212	0.0979615	0.458263	0.290914	0.179832

HSD17B7	9.472	6.48635	8.74666	6.8692	6.49194
ZKSCAN4	1.67493	2.10581	1.56396	1.43889	1.33007
CRYBG3	0.335344	0.335065	0.256397	0.185519	0.344751
CABYR	0.606771	0.726838	0.656842	0.37534	0.786226
TRABD2B	0.0497812	0.0475187	0.0660388	0.0447917	0.0389355
ATF3	11.3848	14.2613	22.3272	9.76426	13.2732
ATP6V0E2	0.0347391	0	0.0634666	0.0584379	0.0203798
RTN4RL2	30.2342	28.2181	25.569	19.6274	28.0769
SLC2A1	114.368	126.51	74.2056	70.7991	114.516
PDIA4	73.3446	83.4152	64.7901	49.5908	78.1151
PHF7	1.54288	1.88971	1.50338	0.97844	1.72311
SYP	0.268263	0.297034	0.326635	0.191418	0.211331
MRPL27	76.3132	84.9289	76.444	56.0839	69.0085
SPEM1	0.698006	0.577085	0.565576	0.519286	0.483508
NTN4	0.64617	0.474383	0.534357	0.439933	0.435113
LOC553103	0.253118	0.209764	0.185977	0.0281142	0.345513
PHLDA3	101.067	135.883	88.156	65.5613	116.915
SREBF2	37.5869	32.0196	30.2858	26.4504	31.1009
ITGAE	3.11526	3.87729	3.0054	2.27139	2.83214
PVRL2	54.3228	54.5876	42.0852	37.4562	48.2386
ZNF815P	0.621593	0.666721	0.624215	0.375979	0.585957
LOC728743	0.764167	1.19498	0.727904	0.679033	0.909277
AMIGO1	2.10431	2.84694	2.44637	1.70324	2.2274
PFKFB3	28.8146	25.3433	17.0196	19.5501	20.5065
LOC100129046	0.0935873	0.0256175	0.0458719	0.062118	0.0709064
GPR89A	4.4591	4.7176	4.46781	3.36228	3.69482
TSPAN10	1.20626	0.574028	1.28321	0.539724	0.812308
SLC11A1	0.119693	0.20236	0.266346	0.150294	0.148969
NS3BP	1.34827	2.6594	2.60755	2.15959	1.70856
LINC00460	0.402666	1.03635	0.459607	0.155279	0.885675
DMXL1	0.85727	1.06125	0.7038	0.636381	0.827544
LOC400752	0.414799	1.00721	0.777129	0.198786	0.806068
SNAI3	2.65885	3.43762	2.3679	2.36942	2.69587
AKT3	1.91708	1.7902	1.59808	1.37647	1.52117
STARD13-AS	0.0428061	0.0606883	0.106535	0	0.170172
LDLRAD4	0.0898938	0.0409158	0.071061	0.0777547	0.0399633
TFEB	2.8318	1.93	2.09455	2.43779	1.45941
LOC100130238	0.036988	0	0.0111627	0	0.0227552
BREA2	0.643162	0.512314	0.734919	0.440326	0.424704
FLVCR2	0.798266	1.13732	1.03647	0.666494	1.02344
NFAM1	0.00549632	0.0296975	0.00669217	0	0.0339631
FAM162A	382.432	426.182	275.189	190.352	413.883
ARHGAP33	2.84881	3.68523	2.31524	2.74403	3.19786
MBOAT1	1.80983	1.62853	1.25486	1.28587	1.44549
RAB6B	0.230907	0.517326	0.511165	0.311041	0.342588
LOC284837	0.05217	0.0296339	0.0357456	0.049689	0.0452911
PSCA	0.430769	0.980488	0.607835	0.360038	0.793214
TAS2R4	0.0677147	0.0498738	0.0854862	0.0564228	0.0469035
ENPP1	0.826204	1.06456	0.877628	0.723756	0.929729
KPNA7	0.0179691	0.0488961	0	0	0.0226202
RASSF7	42.3129	39.0733	39.2726	30.3877	34.4898
TRPM6	0.0385041	0.0403255	0.0674722	0.0256301	0.0516661
STX11	0.203066	0.293624	0.253153	0.203987	0.207944
MCF2	0.0168733	0	0.00711028	0.00934796	0
TMEM120A	33.9641	44.3664	34.9818	25.2697	36.9936
ABHD4	9.74222	9.39487	7.2992	6.14205	8.98034
NUCB2	11.0021	11.5918	11.8924	8.96433	10.4009
PARP16	9.16704	8.39616	10.475	6.96054	8.07121
POU5F1P3	0.0323646	0.0856382	0	0	0.0397826
LRIG2	2.15206	2.64539	1.74149	1.55354	2.2186
JPX	3.97348	3.84909	3.22984	2.45057	3.13184
ITGA1,PELO	21.3651	16.1195	17.048	14.6064	14.3219
TXNIP	21.1777	41.0329	20.597	17.5481	33.0754
ARHGEF5	4.56531	3.58433	4.3411	3.39594	3.18103
FADS2	9.37617	7.81112	7.50813	7.42371	6.49692
E2F1	16.7771	20.5785	14.1092	13.2516	17.6968
PROSAPI1	5.02486	6.64555	3.92964	3.64429	6.02661
ICAM4	0.17897	0.095323	0.241111	0.0995394	0.111252
PITPNA-AS1	9.86041	15.5469	17.4224	10.4787	10.9168
MPP2	6.93766	7.21836	4.08491	4.24166	7.60437
HAPLN2	0.126654	0.0420973	0.0378202	0.0529456	0.114788
H2AFX	205.74	188.619	214.643	175.546	151.162
KRT10	13.4386	21.5965	15.6624	11.2596	15.5456
ERMP1	4.94271	5.42009	4.04572	3.31762	5.39014
DUSP10	0.80887	1.61686	0.568536	0.615138	1.38041
BAAT	0.132626	0.11169	0.112837	0.0633561	0.158465
PDZD7	2.76175	3.01958	1.98809	1.67675	2.71219
TRAPPC6B	3.51611	3.82709	5.12751	2.96326	3.55487
UNC13B	1.61518	1.4662	1.27995	1.05248	1.37721

CALR	504.151	583.747	427.936	341.962	524.663
MNF1	35.1373	44.5768	28.2848	26.7132	36.1808
ZNF224	0.0169382	0.0592185	0.031442	0.0279702	0.0444804
SLC25A5-AS1	0.201575	0.553963	0.344912	0.198586	0.401174
CD27	0.189694	0.363651	0.229068	0.180634	0.264934
TBC1D2	10.9875	9.05997	12.1396	8.6128	8.40389
MYBL2	21.462	18.1833	17.6572	17.8827	16.0215
EIF1B-AS1	0.084119	0.0857665	0.105025	0.020036	0.0965764
PCDH11Y	0.0139567	0.0333635	0.0234541	0.00776241	0.0249108
CNPY3	59.274	56.3795	56.4968	44.2182	47.3163
IFIH1	0.589525	0.665211	0.528229	0.494132	0.491533
HAL	0.0771971	0.0916385	0.128847	0.107394	0.0770475
RBFOX3	0.0485223	0.043205	0.0582167	0.0541088	0.0395858
SMAD6	0.56626	1.44042	0.745864	0.597127	1.11101
MYL9	82.0799	94.1967	78.7107	51.6658	91.0794
LYSMD3	2.61864	2.10032	2.33771	1.89466	1.8121
SLC39A10	4.68601	3.99226	3.59077	3.12737	3.68501
MSI2	7.14999	6.50073	5.43386	4.66831	6.27908
PTGS1	0.005193	0.0295137	0.00648267	0.017324	0.00686284
LOC100506804	0.0763299	0.299522	0.167859	0.127147	0.179436
EMILIN3	5.18208	4.67934	2.73287	3.70898	4.22936
HBE1	139.046	201.323	115.961	105.904	172.544
MYH10	0.0842687	0.0574434	0.114794	0.0853826	0.0495802
FOXP1	3.16256	3.62272	3.36787	2.58712	3.57632
PJA2	3.66479	4.38942	3.35991	2.4275	4.29345
USP30-AS1	0.043596	0.11937	0.105154	0.217524	0
RGMB	6.6022	9.26989	9.18503	5.47722	8.85729
CFDP1	34.9931	32.5113	23.478	21.0052	32.3411
FBXO16	1.14643	0.821805	0.667717	0.773072	0.578733
PLIN5	1.93778	1.59562	1.57926	1.63369	1.30371
OLFML3	0.0154602	0.021191	0.0189336	0.0257275	0.0195354
LOC648691	0.00784031	0.0110689	0.00974157	0.0130213	0.0103136
CACFD1	6.44918	6.29506	6.43316	5.2089	5.66961
CARHSP1	29.6136	37.1695	23.1428	20.5372	32.6379
CABLES2	1.9882	2.27569	1.72946	1.70639	2.15322
KTN1-AS1	1.65814	1.60664	1.79043	1.23689	1.27739
PCDHB15	0.133196	0.167618	0.0817096	0.177639	0.0870659
TMED1	33.7381	37.6769	30.9502	23.232	32.0609
ASCL5	0.29294	0.50976	0.574227	0.325314	0.294966
GPX3	0.0635737	0.0218993	0.0390719	0.0532336	0.0201837
RASA2	0.562348	0.812289	0.485042	0.306431	0.826408
FITM1	0.718294	1.3902	0.686728	0.520867	0.94824
GNAQ	1.08648	0.907378	0.877087	0.994813	0.793029
SMAP1	3.78414	4.52968	3.40687	2.37266	4.96432
RAVER1	38.9889	35.3123	28.5437	28.9568	30.1786
CTAGE6P	0.0409944	0.0465326	0.0819614	0.054241	0.0549498
NCOA6	4.82097	3.71896	3.85566	3.58078	3.14435
SRGAP1	0.590501	0.58409	0.492774	0.469627	0.502686
SMPD3	0.605198	0.424044	0.38949	0.500797	0.294579
PLAU	25.8474	24.7644	37.7838	21.9929	26.7205
SBSPON	0.329471	0.358469	0.282106	0.282283	0.27719
U2AF1L4	3.63417	3.47784	2.62086	2.05041	2.76548
SEPT1	1.06847	1.0955	1.04692	0.786454	0.89104
UQCRHL	1.92865	2.71113	2.38277	2.21492	2.12569
ATP2B4	1.78221	2.41548	1.27783	1.22445	2.30232
ZIC2	7.58305	6.22471	5.27385	4.79692	5.65636
ANKRD20A5P	0.10179	0.116277	0.0613373	0.107153	0.073495
FAM110C	1.9008	1.35664	1.323	1.38391	1.18183
KDM3A	26.7536	25.8906	14.1994	15.9228	23.7267
DKFZP434A062	0.0340033	0.0184548	0.0248157	0.034244	0.0169128
CCDC175	0.36198	0.46124	0.380351	0.339185	0.371863
TFAP2A	4.58817	5.0309	2.88192	3.52395	4.26502
TNFAIP8	3.85968	3.48392	2.81743	2.32501	3.61315
ZFP14	0.414237	0.245356	0.307755	0.303045	0.216209
ZNF649	0.146991	0.173917	0.143264	0.100007	0.172472
ZNF30	0.413776	0.929284	0.717818	0.486855	0.696721
PAG1	0.116188	0.0775675	0.082227	0.0906681	0.05938
OIP5-AS1	10.2352	9.06976	8.96872	6.88532	8.16626
LOC284581	0.0153564	0.0329444	0.0290042	0.0256204	0.010312
FAM72B	2.28202	1.08778	2.15273	1.93619	1.0187
DAZAP2	30.0538	41.5257	28.3143	23.4642	34.4097
LPAR2	17.1357	18.2015	15.9522	15.1579	14.9441
LDHD	3.50473	6.95204	2.37256	2.0615	6.14861
PRELID2	8.51055	8.39734	6.02727	5.49267	7.6567
MT1L	1513.88	1394.03	1102.25	1081.19	1163.09
SLC39A9	15.0301	16.4616	14.2624	11.3933	14.2233
BCOR	2.32484	1.71477	1.75768	1.53595	1.66777
IGSF3	1.57656	1.66268	1.47074	1.13889	1.47087
TTC37	2.07036	1.56305	1.47225	1.44758	1.54511

DNASE1	0.889505	0.702043	0.445072	0.60658	0.604575
STXBP5-AS1	0.0284224	0.0311056	0.0271375	0.0356703	0.009754
FBXL8.HSF4	11.6496	14.63	7.61722	8.1473	13.6417
WEE1	36.295	34.5273	22.1696	24.3736	30.9155
HIPK4	0.156525	0.0683581	0.124524	0.17467	0.0206536
NBPF1	0.822691	0.876996	1.11634	0.630778	0.879007
FNDC4	10.5351	17.2383	11.2821	8.24866	14.3944
PIK3IP1	2.74599	5.38038	2.16297	1.91376	4.74099
SLC10A7	0.504358	0.525855	0.612984	0.394174	0.455105
LOC100129250	19.8518	20.1715	13.6086	11.0272	19.6803
CYB5A	13.1236	10.7034	11.4215	9.26327	10.1085
LINC00324	0.759769	1.21702	0.706402	0.507708	0.988852
DIP2A-IT1	0.0763936	0.108071	0.0946898	0.126076	0.103069
FAM72A	1.63616	1.1002	1.89683	1.6962	0.834237
RAD54L2	0.313347	0.233924	0.260199	0.207109	0.237253
CDCA3	30.5538	27.5847	30.9862	23.9187	23.0787
MMAA	0.513167	0.49149	0.471058	0.404617	0.419883
REEP1	0.597325	0.797971	0.825606	0.663924	0.674895
FANCM	0.684795	0.517179	0.365327	0.529299	0.42492
LURAP1L	0.893316	0.812049	8.98429	3.17906	0.912978
ANAPC15	22.7754	24.6704	20.7159	17.6754	19.1614
RSBN1L-AS1	4.30416	5.19127	4.97794	3.33198	4.0779
PGAP3	2.18537	2.12054	1.47737	1.29928	2.09534
VCL	15.7329	15.3613	13.1277	10.6072	15.5223
EFNA4	40.4912	36.3341	27.272	25.093	31.8082
HDAC6	2.88039	2.83818	1.8522	2.18996	2.47046
MYOM1	0.16497	0.126793	0.133664	0.0862154	0.141921
RHOG	71.5941	63.5097	62.1324	50.5264	55.475
NKX2-5	26.5501	25.6797	29.2071	20.3764	24.0544
RAB11FIP5	26.0162	26.8799	18.7677	18.0952	22.6738
IFI35	4.98607	4.13993	4.89346	5.09581	5.15596
ABCA1	0.0385172	0.0643739	0.0268414	0.0751096	0.0200313
TEF	2.31687	3.30054	2.2472	1.65432	3.04298
AGAP9	0.157019	0.153497	0.0960745	0.111703	0.0851651
CECR6	0.393609	0.614975	0.483818	0.311836	0.528604
ZNF143	5.90691	4.17337	4.78887	4.00872	3.60092
LEPREL2	23.5249	26.2316	19.4188	18.9342	21.2292
DSTNP2	3.71306	3.82224	3.12748	3.08124	2.70302
FBXO6	20.7024	18.5146	15.6669	14.2481	15.7565
USP18	3.72548	3.86769	3.29731	2.86268	3.76805
FAM64A	17.3376	16.333	19.7034	15.0945	12.918
KCNH1	0.00925662	0.0043603	0.00383963	0.0103036	0.00405358
SPAG5	22.0723	19.9879	17.5867	15.8347	17.6468
SHBG	0.646808	0.973801	0.500395	0.940498	0.453876
SKOR1	0.341626	0.845801	0.425534	0.566372	0.390602
LCP1	99.7914	73.8304	96.6446	73.0719	72.5319
HLTF	0.0260692	0.0957099	0.066354	0.0434028	0.0728753
MAP3K3	5.04215	5.23305	4.73817	3.86579	4.51999
KHK	6.1239	8.96114	6.35954	5.33332	6.92454
FANCG	19.7827	19.9616	16.3473	14.2216	19.2806
KLF4	2.759	4.09402	7.7034	3.63649	3.46275
PIM2	26.4688	19.999	18.416	16.8194	19.564
RGS2	2.947	9.62147	2.83994	2.27885	8.37781
TIMP2	7.76858	9.95866	7.54702	6.2704	8.76882
STX8	51.6813	47.3522	46.6856	37.5486	42.6217
KIAA2013	63.3324	67.4877	54.1774	49.1707	56.0652
SOCS1	2.47765	3.55652	3.54981	2.35118	3.24027
CCNG2	10.2061	7.53973	6.87246	6.51176	7.54842
KIAA0430	2.21908	2.2633	1.97248	1.8132	2.02374
ERN1	0.174415	0.214612	0.174	0.151282	0.14134
HCN3	0.930873	0.943485	0.769968	0.849453	0.815617
SHCBP1	6.58731	5.00013	5.81155	5.01736	4.42418
PPAPDC3	0.213873	0.403115	0.286412	0.396594	0.235685
JHDM1D	2.22	1.81647	2.04463	1.6885	1.64833
CCSAP	2.83967	1.72111	1.90108	1.78715	1.79911
PPP1R3E	2.70349	1.49365	1.81816	1.93313	1.28517
MYL2	0.0810019	0	0	0.0666385	0
DAPK3	162.759	148.189	131.068	109.139	142.809
HYLS1	2.34304	3.91773	4.13594	2.5949	3.07102
PLCB2	0.107954	0.24269	0.220288	0.0898226	0.264167
BACE1	2.80374	2.42934	3.22303	2.37959	2.50928
CACNA1D	0.0132674	0.00464853	0.0205354	0	0.0259983
CYTH1	4.48604	4.566	4.98402	3.99539	3.90078
CA5B	0.956233	1.04964	0.784484	0.671274	1.11879
C19orf73	2.347	2.02991	3.55146	2.83694	0.896777
TPP1	36.7194	47.5097	31.7965	29.1611	38.115
DPCR1	0.00767284	0	0	0.00631788	0
FGF17	4.72325	4.67347	2.72405	4.03287	3.71117
RPP30	6.76733	6.84065	6.45257	5.33144	6.14194

RELB	13.0784	13.1494	15.6402	10.998	11.1999
CRYBB2	7.64764	6.74848	7.47076	4.85477	6.72465
MOV10	35.5329	34.6037	29.8274	29.7081	28.9629
PARD6A	15.6269	19.4777	15.736	12.4565	15.3941
TUBGCP4	9.73011	7.60958	7.54767	6.17098	7.41262
AKAP9	1.08825	1.54741	0.295955	0.694472	1.45179
ZNF784	8.60567	12.7538	7.15507	6.22435	10.1078
CROT	0.478121	0.98488	0.636559	0.421173	0.803609
N4BP3	5.03321	4.62619	5.25335	3.76966	4.17424
FAM3B	0.239198	0.282349	0.173085	0.13263	0.266683
ATP1B3	76.6895	84.227	89.3905	65.8288	68.2204
DNAH5	0.0289221	0.0216382	0.0241111	0.0297576	0.0222234
RRAGB	2.96665	4.22173	2.99394	2.28818	3.45204
CNTNAP1	8.10959	9.41902	5.85181	5.91827	8.93102
RNASEL	0.590411	0.667914	0.423991	0.469653	0.511636
CCDC120	0.382061	0.335008	0.389914	0.270637	0.443624
ATP8A1	0.291209	0.594985	0.246747	0.250122	0.474417
CAMK2D	4.68359	5.41129	3.67411	3.28792	5.11063
PAIP2B	2.52056	2.58085	2.0263	1.71469	2.52033
YPEL3	22.9557	32.0808	18.1367	17.9238	25.8801
FKBP2	102.767	82.5339	86.6147	75.2821	77.733
SNORA72	3.89018	27.1448	23.2289	12.5935	11.3015
ORC1	4.73506	4.56368	3.69967	3.11782	4.59891
TSSK2	0.380486	0.346283	0.957694	0.530534	0.097178
NES	8.79587	6.51747	6.46529	6.0075	7.03052
WDR54	103.847	113.515	88.4364	68.6569	105.583
MURC	0.193448	0.192634	0.242843	0.167282	0.159262
LINC00263	17.0599	15.4123	15.4174	10.9038	15.1789
TIPARP-AS1	0.243248	0.508512	0.299952	0.203409	0.36294
PHLDB3	13.2217	10.6791	9.9449	9.94766	8.99556
DYDC2	0.0124676	0.0531432	0	0.0378992	0.0164313
C5orf45	70.4538	45.077	56.1057	48.7983	40.5495
DRAP1	613.738	578.362	491.885	441.07	514.249
C1orf220	0.122143	0.145186	0.0702374	0.0783886	0.134917
CLDN22	1.48312	1.6993	1.77514	1.42966	1.42603
C10orf118	0.334381	0.391745	0.217019	0.29266	0.257218
TMEM91	7.13029	9.21631	5.01657	5.55202	6.38862
TTC13	1.55226	1.18795	1.60901	1.26778	1.0702
CTGF	16.6478	18.3176	11.9456	11.0724	17.793
IKZF3	0.0181513	0.0186142	0.0162718	0.0173074	0.0174636
CSF1	2.51731	3.44268	2.94236	2.64376	2.6918
LOC441461	3.24077	2.07639	2.49633	2.23024	2.56504
HERC2P10	0.137636	0	0	0.113854	0
NCKIPSD	30.4685	28.2178	20.1957	20.6762	25.0489
LRRIQ3	0.142824	0.203834	0.183974	0.181158	0.0883885
CGRRF1	5.53192	8.27349	7.08792	3.99055	6.63912
C6orf106	17.4726	18.7879	14.8374	12.6781	17.0064
DNMT3A	1.63829	1.29747	1.42703	1.4444	1.06998
C14orf1	39.5148	34.7494	33.1694	27.8776	35.777
LGALS1	2312.74	2306.51	2291.66	1486.55	2283.31
CTSS	0.0315485	0.0368034	0.0134094	0.0175741	0.022123
PDXP	64.1326	56.0751	46.5383	44.5468	51.6773
WDR62	7.28353	6.40763	8.04721	7.42033	4.60196
SUCO	3.99547	3.04224	2.94143	2.51083	3.00383
CREB1	2.4735	1.94212	2.16723	1.81057	1.94326
NR5A2	0.026406	0.0389019	0.0168464	0.014728	0.00614336
CDH24	11.1539	14.4431	9.09866	9.60773	11.7941
DHRS13	37.9081	37.2794	34.1446	25.2407	36.5056
PMFBP1	0.104638	0.102076	0.117839	0.113849	0.0952673
FIGF,PIR	0.901808	0.905972	0.607121	0.763937	0.659262
GPT	0.283613	0.368201	0.36979	0.618032	0.0335195
GLB1,TMPPE	32.1644	34.7168	31.9527	24.7983	31.9703
ART5	0.588974	0.575801	0.523916	0.402677	0.619687
CCBL1	13.4599	14.5623	9.43337	9.14195	12.6541
C1R	0.402437	0.974351	0.426774	0.565036	0.605324
BMS1P5	0.191925	0.28788	0.166334	0.134494	0.258962
GCAT	132.989	131.867	107.89	86.1113	124.238
PAF1	16.9376	17.4191	16.3908	13.3427	15.1767
CRHR1	8.97791	9.0011	9.4384	7.55967	7.81356
RASAL1	0.0179373	0	0	0.0148757	0
CTAGE4	0.291209	0.271495	0.30162	0.233936	0.144796
NUDT22	65.755	66.8697	59.1944	50.3147	60.6097
ANKS1B	4.49015	2.92043	2.84406	3.44594	2.81958
SLC29A4	16.1752	18.1079	12.8778	12.3552	16.2426
ARVCF	18.1774	17.4383	13.3487	13.1895	15.3321
MTMR11	3.00708	3.3378	2.58943	1.84574	3.78133
PRR15	2.82141	2.37809	3.31568	2.8993	2.37705
LOC400680	0.502741	0.597466	0.55529	0.314143	0.540333
RAB3IL1	6.51	5.6005	6.99155	5.15118	4.83724

ARMC7	6.90297	7.55461	8.86858	6.84523	6.20597
FHL1	0.06036	0.121528	0.13662	0.100815	0.10946
SLC25A13	5.0701	4.87476	5.83715	3.91921	4.47811
B3GALTL	1.76969	1.68398	1.65816	1.28317	1.69979
GLCE	1.15655	1.31278	1.2167	0.999136	1.07679
ZNF33BP1	0.0291444	0	0	0.0241978	0
TVP23A	0.123581	0.163449	0.0205244	0.0690733	0.172914
CTSK	1.01899	1.33565	0.889989	0.763878	1.43506
SYT15	1.13071	0.886497	1.16916	1.12584	0.653721
EBP	75.6309	78.0104	64.3896	57.1696	69.7814
GGTA1P	0.278603	0.289301	0.116214	0.277545	0.124258
TMEM184B	19.3485	20.3887	19.3785	16.5452	16.7919
ERP44	17.6294	17.3995	16.8848	12.7425	16.834
HOXC10	9.67957	8.07576	8.79076	7.74366	7.09072
ARRDC3	10.7529	4.23656	5.44408	6.12298	5.00852
CCDC61	9.3804	10.631	7.42958	7.16738	8.89588
CTAGE4	0.0660166	0.0585661	0.113518	0.0955372	0.0883766
EHHADH	0.819179	0.682727	0.844797	0.672097	0.790289
CTDSPL	6.86306	7.09961	7.09728	5.80541	6.35753
AVP11	21.3002	22.9302	14.886	14.7048	20.5143
RDH11	19.5921	19.7743	18.4499	14.5391	18.289
TRAF6	1.55964	2.16315	1.80699	1.34622	1.85838
ZNF624	0.450868	0.35385	0.362654	0.284813	0.368093
OST4	556.943	656.402	483.117	364.946	605.193
KCNJ5	0.0301837	0	0	0	0.0252732
CGN	2.11187	2.72099	1.32091	1.46438	2.50538
FOXF1	1.63829	2.59541	2.10994	1.76768	1.91931
ANKRD10	9.96253	9.95848	10.7967	9.00984	7.6943
CYP2D6	2.0298	1.76362	1.67665	1.73645	1.49182
PGK1	801.78	920.027	736.345	471.715	934.646
MTRNR2L6	1.02051	1.03939	0.885192	0.732796	1.10428
POT1	3.5709	3.29748	3.52639	2.8513	2.94211
C10orf111	0.0503263	0.169053	0.168496	0.0839871	0.0906991
ANKAR	0.190315	0.260244	0.225063	0.181341	0.196614
CCDC107	15.0691	18.2535	12.9264	10.017	17.0326
HCFC1R1	414.371	497.445	311.526	291.322	417.968
LAMA2	0	0.00315795	0.00837037	0.00374454	0.00589862
GSTM4	16.1591	17.7422	14.8626	12.3679	16.5363
UBTD1	37.3904	37.9688	34.4995	26.8416	33.0824
TUBB6	4.27693	4.99175	5.99806	3.41414	4.6599
HMBOX1	1.16124	0.828518	0.889427	0.667309	0.926414
SLC22A4	0.188071	0.417322	0.483997	0.292448	0.404294
SERPINF2	0.181008	0.193645	0.131264	0.121403	0.110719
MICB	10.573	8.47175	7.20793	7.90739	7.21184
PLEKHA2	14.0815	13.3869	8.78112	8.22447	14.2958
LOC643623	0.0150587	0	0	0.0125488	0
RAD54L	11.9395	9.82157	8.63085	9.68373	8.23276
LOC388152,LOC642423	14.9219	15.7873	15.5908	11.5226	13.9247
PKD1L1	0.143393	0.0562437	0.152159	0.119566	0.0932712
TIGD7	0.1228	0.169967	0.0962465	0.0678553	0.122222
UAP1L1	51.5562	45.8547	35.0658	37.684	42.7552
JMJD6	35.2491	22.1742	23.6091	23.556	21.5193
TMEM200B	7.57377	6.73825	7.00619	6.07477	5.57048
SLC27A5	18.3259	22.04	18.2878	13.2476	17.7556
ODF3L1	0.063539	0	0	0.0530041	0
SLC35G3	0.0320864	0	0	0.0267678	0
NKAPP1	0.247381	0.417389	0.500139	0.198393	0.457913
FAM229A	2.70521	2.8165	4.16964	3.70832	1.28728
SLC48A1	9.58837	10.1615	9.90577	7.54037	8.66486
SEPT8	11.6293	11.6569	9.46513	8.99929	10.2244
MESP1	44.2952	37.918	39.7811	35.7254	31.9743
DKFZp779M0652	1.32101	1.5617	0.838162	0.778428	1.25402
NFIL3	42.1862	25.4998	32.6431	28.2823	23.8156
ESYT1	40.6146	48.8996	36.7209	29.9753	44.8924
SRGAP2D	0.229723	0.311371	0.34232	0.337442	0.223819
SNX30	2.8586	3.21552	2.70173	2.06427	3.00804
PTPLAD2	0.0323223	0	0	0.0269847	0
HEPACAM	0.0179403	0	0	0.0149778	0
LINC00574	0.0601755	0.142948	0.0548226	0.0251468	0.112006
SPDYE1	0.141442	0.148423	0.12826	0.153034	0.0699469
SLC39A8	11.1291	12.5408	11.9291	9.26099	11.0869
C4orf3	109.564	124.486	77.7577	62.8506	123.8
PAK4	44.9577	39.1046	34.6532	31.504	35.8942
ANKRD36	0.386158	0.426182	0.228845	0.238797	0.410404
FOXDI	126.51	107.8	80.181	78.3327	109.841
DPM3	129.808	166.51	112.014	99.7153	141.503
WNK3	0.00714354	0	0	0.00596864	0
AMN1	1.61744	1.11549	0.934428	0.800329	1.20902
LRP5L	7.09745	6.80243	6.65484	6.69249	5.28345

TFCP2L1	1.17772	1.07949	0.91409	0.892513	1.02132
BCL9	1.77629	2.21295	1.5388	1.47807	1.86213
SVIL	1.96566	1.88866	1.63438	1.56083	1.6472
PTGFRN	9.1571	8.42864	7.2376	6.60488	7.89601
PDE11A	0.124643	0.0979973	0.0741333	0.0842114	0.0886171
LASP1	71.0585	62.4034	60.9216	49.5741	62.4307
DPYSL2	7.16425	12.648	5.43025	5.0379	11.8025
TTC39B	0.551646	0.43297	0.444329	0.502134	0.419678
MNX1	21.812	17.473	24.4076	17.1036	17.0521
ERO1L	45.2091	44.3225	33.2103	25.6513	47.2144
HIST1H4E	5.1393	3.18092	7.24625	4.14067	2.17988
CDC25A	6.0214	6.11377	6.8059	5.50138	5.76319
PIKFYVE	1.96124	1.53978	1.66346	1.43614	1.37833
TMEM48	6.58272	5.7736	7.10326	5.7307	5.08739
ZNF248	1.88364	1.63834	1.83724	1.69609	1.30612
KIF20A	8.10656	7.00661	7.70725	6.51321	6.0605
SUN2	21.4175	21.654	18.8397	15.9969	18.9101
CLCN6	3.19809	3.19272	2.33403	2.23374	3.0067
SAP25	2.43424	1.40276	1.27787	1.68342	1.5173
ANG.RNASE4	27.3745	33.3641	18.7755	16.2537	34.339
ITGA6	2.12058	2.01447	2.43823	1.81591	1.86115
OSTCP1	0	0.0925888	0.160316	0.211764	0
GNMB	0.0649388	0.267923	0.122426	0.136114	0.130302
FOXN2	3.24697	2.57792	3.58946	2.50003	2.49747
RGS9BP	0.113119	0.198403	0.215915	0.0811697	0.164222
CCDC50	7.59059	8.50562	8.17498	6.13952	7.2186
KCNK7	0.874447	0.306076	0.422062	0.676754	0.277715
PRMT8	0.691698	1.34215	0.7828	0.498681	1.18546
CABP4	0.0124293	0.00852287	0.00762788	0	0.0241211
TMEM106C	112.146	122.046	103.862	87.2254	113.504
SLC2A12	0.659756	0.590598	0.60413	0.481991	0.640035
MYADML2	0	0.064483	0.116161	0	0.0394374
LOC100130417	0.330045	0.223257	0.596753	0.408706	0.414609
NECAB1	0.050865	0.0415834	0.045512	0.0196632	0.0683959
FAM193B	11.6614	13.5927	6.80347	8.50269	11.5587
CCDC23	12.1602	15.0237	12.4752	10.2086	12.2
TTLL7	0.181179	0.196862	0.149165	0.11247	0.24138
HERC2P2	2.53129	2.00394	1.59185	1.8385	1.56013
PBXIP1	9.19385	10.2519	7.20219	6.97798	8.97279
ERAP2	4.05145	3.8782	3.2674	3.23944	3.5941
CBX1	56.1497	55.22	51.6719	40.3427	53.7358
H1FX	234.895	226.574	293.844	216.01	217.466
ANXA2R	4.35408	3.80696	4.05855	3.89672	2.95772
INCENP	10.4132	9.07898	7.16433	8.40698	8.47282
ZBTB25	4.44437	4.09432	2.02797	2.94299	3.44855
CXorf40A	6.45701	7.67635	6.77704	5.83032	6.21165
SPRY2	9.01836	6.75984	6.84387	6.49696	6.33472
CSF3	0.048056	0	0	0.040352	0
APOBEC3F	3.97217	3.17573	3.34261	2.93122	3.09397
DCUN1D3	2.21944	2.18938	2.00179	1.82573	1.83975
MECP2	35.7377	30.9403	27.619	21.884	29.9558
NEO1	6.30009	6.80349	6.26347	4.9063	6.4491
HCAR1	0.0193363	0	0	0.0162455	0
SLC45A1	4.0081	4.96582	2.688	2.87661	4.17171
WDFY3	1.16212	1.08215	1.0731	0.902066	1.08684
PDIA6	139.652	144.988	133.316	104.106	138.61
MVD	40.8397	32.0341	37.0428	30.7596	29.817
CASP6	13.4098	13.1296	11.5081	10.5645	12.548
TBC1D12	1.81706	1.63656	1.70915	1.23712	1.49866
CCDC9	7.78846	9.02686	6.60632	6.26572	7.73326
TMEM116	3.64004	4.21768	4.62295	3.91525	3.47716
GUSBP3	0.112906	0.109088	0.118332	0.125978	0.127641
C1GALT1	4.29198	4.34589	3.46621	3.24434	4.06114
RAB3D	13.1799	15.8873	11.0893	9.77956	14.3951
LOC100507117	0.0338195	0.0163179	0.0141946	0.0188046	0.0152774
AQP6	0.0120357	0.016346	0.0146052	0	0.0151629
TECR	132.256	123.499	110.826	106.129	110.858
VEGFB	93.1769	88.8884	71.0655	63.9313	84.2593
PPP1R11	48.3111	48.4868	41.8527	35.2368	41.7096
ING1	8.35146	6.81517	6.1454	5.98935	6.50761
SCAMP2	41.5084	38.3157	38.6898	31.7557	34.1071
COLQ	0.922326	0.699454	0.515489	0.786737	0.52623
BPGM	3.74005	4.5515	4.49414	3.34748	4.32516
ETV6	2.27133	2.16393	2.13103	1.7398	1.93812
C1orf213	1.73848	1.54069	0.920303	0.781746	1.62603
ZNF292	2.80343	2.40077	1.16886	1.94006	2.26112
MANBA	12.2787	13.3973	9.55966	8.55293	12.445
MIF	3910.89	4140.87	3612.71	2596.62	3961.87
KIAA1324L	0.330227	0.372778	0.304666	0.260822	0.376264

TEKT4	0.648369	0.693829	0.4385	0.507561	0.473196
IRF1	2.39586	5.01346	2.6244	2.38022	3.94066
UTRN	1.28912	1.26592	1.1452	1.11223	1.16393
BMF	0.311037	0.63941	0.265558	0.279604	0.515135
C11orf92	0.0603355	0.135131	0.09339	0.0698474	0.0825583
RRP8	14.1732	14.2639	12.9549	11.0621	12.3842
BAG6	75.698	62.0393	67.2639	58.182	57.0972
INE2	1.87522	2.48531	2.42599	1.64019	2.4139
MOB3A	11.5791	10.2311	9.2976	9.57637	8.96058
SRPX	13.4932	15.5104	11.5456	9.15229	15.4663
NTNG2	1.85254	2.79422	1.31462	1.16153	2.6182
PDP1	6.61534	7.44066	5.48085	4.94362	7.29119
DBNDD1	43.6497	45.6109	41.8232	35.1961	39.7298
MAPK7	12.296	10.4656	8.3064	9.43252	8.9904
TIFA	6.10678	6.52513	8.80315	5.57394	6.01786
COQ2	15.7837	18.7501	17.47	13.4259	17.125
RYBP	8.68351	7.44615	6.26484	6.07796	6.92483
BRPF1	5.72746	7.12717	5.98409	5.05505	5.86666
TGFA	2.36149	2.1013	2.37353	2.02273	1.70928
GREB1	0.130278	0.0453787	0.100646	0.0606411	0.102926
ZNF641	2.45331	1.79569	2.95793	2.05801	1.82615
ARHGEF26	0.167784	0.169941	0.152413	0.193953	0.128524
C6orf47	9.56217	9.83591	10.6127	8.97504	8.06027
CCDC110	0.181634	0.122109	0.0708979	0.103991	0.126373
ANKRD23	2.51973	2.18345	1.3064	1.8247	2.11104
MAP3K4	2.84775	2.00127	2.53675	2.23868	2.12955
GALR3	1.46842	1.06041	1.83656	0.972991	1.3223
CREBRF	2.16155	2.23622	1.88529	1.64559	1.90041
BANP	7.41929	5.42664	6.94922	5.72047	5.34134
BLVRB	187.644	201.316	179.169	147.53	165.782
CACNA2D2	0.15469	0.246878	0.127944	0.0740908	0.239528
AP2S1	209.49	188.581	184.57	160.295	162.727
MTFP1	154.138	148.533	160.046	122.084	125.065
TP73	4.43137	4.16127	3.51211	3.42737	3.74621
AKAP7	0.941342	0.922942	0.949328	0.962319	0.608929
CEP55	15.7272	12.0147	15.2078	13.0145	9.94941
MET	7.99378	8.15234	8.57818	6.63678	7.38042
TAF5	3.31984	2.38908	3.50891	2.64919	2.53982
KLF12	0.481737	0.406337	0.459142	0.431834	0.352889
PCDHB3	0.186109	0.223265	0.13379	0.146797	0.158252
MAP2K7	26.8472	22.7003	22.0282	20.2117	21.5584
MT1B	0.151705	0.20585	0.183837	0	0.194925
PELI3	11.5803	11.3047	12.5969	9.57097	11.0709
PPP2R5B	23.6613	21.6998	14.1212	14.5604	22.0259
COX8A	1048.74	1005.33	870.367	806.817	814.452
PHPT1	107.394	175.304	105.102	91.5275	142.509
BCYRN1	26.1059	30.2143	26.0293	23.9393	29.5968
ITGAV	2.5747	2.75043	2.29735	1.94931	2.43995
SGK196	0.519768	0.380666	0.497594	0.378016	0.495389
TUBA4A	93.0651	105.024	75.435	68.2251	92.3483
NBPF3	4.92953	5.25713	6.31327	4.15723	4.69664
BTN2A2	3.96105	3.60413	2.77734	2.83202	3.18527
ARHGAP32	2.08052	2.32432	1.29216	1.51385	2.08539
SLX4IP	0.256367	0.408809	0.224236	0.209868	0.193514
HLA-L	0.00949803	0.020148	0.0117883	0.00787294	0.0189581
BAD	83.64	91.9725	76.793	54.9133	92.3457
MYO1D	3.69401	3.66699	3.81573	2.99087	3.56517
RFC1	8.92689	8.49747	8.23185	6.96691	8.31514
ENPP5	0.621113	0.435208	0.298773	0.391651	0.430917
LOC100271722	2.33744	2.52105	2.60905	1.59748	2.13137
FOXD2-AS1	3.38711	2.65286	4.58956	3.19216	2.48169
LINC00853	1.707	1.9883	1.85306	1.12765	1.70179
CSRP1	104.927	109.013	98.7206	82.0287	97.5269
SCFD1	7.93852	7.01585	8.40855	6.17631	6.52662
MKL1	5.18501	4.90338	4.81358	4.45637	3.97536
KCNJ11	7.37529	6.70944	5.8447	5.94319	5.40783
KLHDC2	18.1499	21.5314	20.4421	14.5974	20.0372
NAIF1	3.2094	4.66002	3.34897	2.60795	4.00368
MEF2D	12.0944	9.45394	10.8526	9.16321	8.80728
FKBP9L	0.478158	0.490595	0.666361	0.379155	0.633207
GRN	160.932	162.824	148.358	135.014	134.412
EIF2AK3	2.24937	1.91309	1.97084	1.59535	1.84396
COX7A2	292.578	326.143	278.314	220.347	272.475
SMTNL1	0.0170538	0.0440057	0.0405207	0.027878	0
PRSS23	1.63098	4.84334	2.89058	1.94568	3.80352
ALG12	6.04069	7.72844	6.09385	5.41182	6.0724
TRIQK	2.32835	2.4555	2.46285	1.72568	2.28279
TNXB	0.0149124	0.0498983	0.0300598	0.0208908	0.0155167
LOC729041	2.33069	2.41049	1.57148	1.3446	2.16503

LRRN4	2.39213	1.31958	1.5184	1.81948	1.32149
PHKB	4.38587	4.02003	4.34561	3.19885	3.86949
PROX1	0.0556064	0.0360144	0.0508504	0.0447458	0.0379585
BST2	419.455	450.121	347.1	303.775	407.099
PGM5P2	0.100403	0.162455	0.12487	0.0958723	0.132611
C17orf104	0.0691349	0.0835702	0.0775931	0.014434	0.104317
COX20	4.57613	5.22957	4.82338	3.47694	4.45963
DDT	295.232	327.393	272.223	225.783	287.536
EME1	2.33872	2.11174	2.55547	2.48161	1.43983
LOC284801	0.0409381	0.0598997	0.0260223	0.0342312	0
ZNF487P	0.259782	0.50772	0.360063	0.24978	0.443962
CYR61	248.053	183.648	221.65	176.242	191.209
AGBL5	12.0943	16.1192	12.866	9.28903	15.2368
ZSCAN2	6.09774	7.74578	5.85876	5.0918	5.70884
CAPN7	3.42063	3.61879	3.30901	2.76773	3.22082
GBA2	11.6768	10.5051	10.2797	9.20998	9.72612
ALKBH7	74.7444	76.139	79.4766	57.1203	72.6669
LINC00659	0.638899	0.430296	0.576903	0.587349	0.297052
DMAP1	17.402	19.3299	13.6907	13.9615	16.4052
CELSR3	1.11887	1.5794	0.744727	0.986548	1.36303
COL7A1	0.756308	0.85995	0.498712	0.582019	0.850029
GAN	0.248698	0.228169	0.247111	0.187157	0.230188
TLN1	18.2348	18.9228	15.3401	13.4102	18.8439
ZNF548	1.53476	1.57202	1.6529	1.27416	1.54282
IQCJ,IQCJ-SCHIP1,SCHIP1	7.8387	6.7788	6.69866	5.52991	6.72286
PLA2G12A	4.57829	4.11339	4.98056	3.66782	4.22326
SCARA3	11.3419	14.8632	9.93668	9.51373	13.1887
FUT1	3.30101	3.83217	3.11457	2.97672	2.71063
ISCA2	30.904	34.0337	31.7964	23.2556	30.81
TNNI2	0.105119	0	0	0	0
PLK4	5.93945	4.9145	4.6009	4.61275	4.84229
GPR156	0.00593866	0	0.0146634	0.00987899	0.00769511
SLC44A2	26.3985	21.427	15.044	18.0762	20.9189
CDC42EP4	9.04262	10.6079	8.01506	7.75227	8.95959
MDC1	6.02062	4.58983	4.83209	4.78858	4.37646
HOXA13	1.16877	0.986041	0.529765	0.54534	0.878309
YOD1	2.4566	2.37436	1.54237	1.58947	2.30239
PSMB10	51.4993	54.4177	46.2549	42.9382	42.6131
ITPR1	2.81187	3.53922	1.77084	1.82503	3.07379
ARID5A	11.097	13.21	8.78988	8.23843	12.0862
KIAA1715	5.01274	5.05274	3.50032	2.82039	5.25782
LIME1	10.0158	6.01913	7.82223	8.2821	4.66999
ZNF844	1.96153	1.06062	1.09902	1.24811	1.31011
BNIP3L	48.9818	56.46	42.7104	29.0683	58.8288
CRTC3	6.96287	7.09464	6.82442	5.44787	5.71241
PMCH	1.06032	1.17768	1.02275	0.99254	0.720694
MAP3K11	20.0638	20.231	19.1322	16.595	17.4591
FLJ13224	0.0382714	0.251144	0.22534	0.254013	0.185675
DPP8	1.0314	0.929447	0.894385	0.8059	0.972669
TBC1D5	4.11171	4.11649	3.7758	2.92504	4.02113
TBC1D22B	4.87901	4.71743	3.58267	3.64361	3.87567
YPEL2	1.72097	1.31756	1.31776	1.31931	1.09727
CAPS2	0.0808118	0.0521227	0.0679595	0.0744656	0.0492093
GHDC	16.8823	15.6291	16.3259	13.332	15.5231
TPI1	1217.46	1350.54	988.441	866.48	1233.18
GLS2	10.7497	13.6321	10.8989	8.70548	12.6582
HSP90B1	107.155	104.763	98.0897	78.59	102.953
NFKBIE	11.0011	13.6802	11.2294	9.34371	11.6477
XKR8	11.6648	13.2552	9.62463	8.38501	13.0068
THEM6	86.7229	81.4533	84.0388	69.1893	74.53
BLCAP	35.1937	52.1568	31.6047	28.4895	43.4165
CDKN2D	10.8971	12.3002	9.18801	8.68079	10.5594
IRF2BP2	31.6616	20.1923	25.9199	23.5185	18.3405
SNRNP70	156.274	117.986	121.946	117.832	113.505
TAF3	2.67147	2.49297	2.46561	2.03842	2.3584
PANK4	12.9479	13.0902	9.44177	8.97856	12.7298
LPP	2.41853	2.05298	2.12029	1.78321	1.94462
MPC2	16.5407	17.2506	15.3899	11.3763	18.3689
LOC100506314	0.665065	0.693365	0.577788	0.582576	0.472978
PMM1	59.4392	60.8165	61.9544	50.064	55.29
PDE8B	0.139435	0.209777	0.220661	0.242547	0.147758
USP30	2.8731	3.1267	2.04723	2.01536	2.88706
TANC2	2.00555	2.1091	1.54298	1.31343	2.1928
TMEM151B	0.0245741	0.0334724	0.0997545	0.0549734	0.0512181
CASP7	4.43035	5.11919	4.32344	3.60752	4.35916
IL10RB	19.7042	23.6864	19.6479	16.4533	20.4623
CDON	0.324893	0.324785	0.244324	0.248122	0.3346
KIAA1328	0.415771	0.417403	0.371526	0.306795	0.33686
MBIP	5.76769	6.83968	4.65087	4.06914	6.01116

EXOC2	4.41622	4.28247	4.13155	3.76754	3.78432
IFT27	10.2922	9.44741	14.5105	9.23814	8.59976
XRCC6BP1	5.12938	6.54962	5.73347	4.76461	5.69522
MICA	33.4389	29.0278	29.5036	27.5761	24.6063
TPT1-AS1	6.34276	7.23957	6.10786	4.48326	7.27111
HSPA1B	46.9803	79.6522	34.2737	41.8428	60.4479
METTL12	5.21345	4.23426	6.64316	4.1238	3.954
MIEN1	104.709	108.897	100.428	82.8417	97.5387
CLK4	6.52258	4.97149	4.42079	4.44932	4.89914
GPI	325.755	421.431	262.87	229.399	384.503
LINC00294	2.93901	2.62202	3.50611	2.40867	2.37299
FAM46C	0.152823	0.608658	0.109109	0.104964	0.487998
FLJ20021	4.13163	3.79391	3.28371	3.69559	3.41757
GKAP1	2.8651	1.72855	3.33358	2.36035	2.21949
PARD6B	2.93313	1.89763	2.22542	2.03828	1.68099
AVIL	0.153331	0.0891238	0.394002	0.146984	0.186805
ZNF585A	0.824096	1.13093	0.854336	0.58424	1.00016
GMEB2	7.57812	7.27661	5.91792	5.94634	6.53984
LOC100506233	3.55866	4.66322	4.26211	4.19723	3.43163
DSC3	0.00888966	0	0.0075726	0.0099288	0.0041686
CAV2	3.13518	3.75315	2.71178	1.84284	4.27201
TSC22D2	11.3551	10.9848	7.68843	8.55283	9.22069
GPR126	3.24192	2.4019	3.09224	2.42317	2.96315
TMUB1	180.835	136.057	173.184	149.154	125.631
F11R	5.32455	6.13599	5.54747	4.50243	5.87923
DTX2	14.9035	11.5725	11.0313	11.3146	9.82586
GM2A	12.8319	15.1614	9.94451	9.08797	15.2803
ACACB	0.417675	0.477394	0.430729	0.387033	0.377092
TET2	0.814066	0.56271	0.615373	0.539573	0.628804
FAM212A	7.31827	11.3556	8.12168	5.18062	10.157
GOLGA8S	0.369033	0.392227	0.316933	0.303802	0.376287
RTDR1	0.0834514	0.074588	0.101212	0.139412	0.0340182
KIAA1191	31.7833	41.5555	33.1651	26.0178	35.8454
ACOT4	0	0.0635172	0.0836114	0.0382686	0.088228
PEX2	8.31068	9.93355	7.26696	6.30642	9.14881
ASPRV1	0.754415	0.804423	0.793274	0.675641	0.56592
DENND3	1.14684	1.19751	1.01028	0.773928	1.37622
CLDN7	0.0952587	0.066392	0.264736	0	0.18444
LDLR	17.4524	13.8248	14.4747	13.6789	13.1156
HK2	57.894	50.1465	32.3548	36.458	48.8003
ANKZF1	57.9301	46.9461	38.8904	41.7166	44.74
SIRT2	44.5856	45.8506	38.7676	31.8612	41.5299
LINC00663	2.00951	1.50916	2.05136	2.05621	1.21493
MED13L	1.86044	1.76488	1.70292	1.48585	1.48376
GJC2	0.117161	0.0614068	0.0557658	0.0787664	0
UBE2Q2P1	0.158176	0.221191	0.195947	0.174712	0.156722
GAB2	3.85454	2.75527	2.89819	2.93263	2.46127
ALDH6A1	2.7761	2.47993	3.22749	1.89602	3.05954
MRPL17	57.9825	55.7474	43.2408	36.2122	56.4585
HMHA1	27.4011	32.8755	18.7103	17.6755	31.4525
NIPSNAP3B	0.469748	0.410781	0.641584	0.546901	0.349756
PSORS1C1	1.07293	0.895786	0.793429	0.695604	0.727561
FUNDC2	17.7724	27.8763	19.9575	14.9613	23.3367
VOPP1	24.0675	26.1166	23.4804	19.8241	22.6792
ENO1	2516.05	2687.47	2254.15	1700.93	2634.06
CEP152	1.59832	1.28217	1.13407	1.2897	1.27186
CHRNE	5.16272	4.45811	3.77594	3.74121	4.30276
MAP3K1	1.17438	0.834783	0.891064	0.861264	0.718631
KIFC1	38.1017	34.1517	34.1486	32.1269	30.6108
AMOT	0.256875	0.243171	0.202833	0.19577	0.238145
SNORA80	6.34377	17.2026	7.58532	5.19747	4.45919
SLC17A5	10.4637	11.3399	7.68755	7.50908	10.0464
MLXIP	6.36108	6.91968	4.00239	4.48841	6.0056
ABCB6	10.2462	14.7139	7.41667	7.53778	13.7794
PSPN	0.918308	0.517291	0.157852	0.21957	0.473189
TAF11	17.617	17.2201	15.2256	14.2478	15.2101
PCP2	0.931395	0.682932	1.09708	0.851863	0.93844
ANKRD12	1.04656	1.10037	0.24605	0.750936	1.03252
MED15	30.2869	24.3044	21.2435	22.4268	22.7537
LMAN1	2.80218	2.93918	1.7869	1.86721	2.84146
UNC119	88.3918	92.9752	68.0061	62.9038	90.5894
GMNN	24.8162	23.7237	18.4422	19.2274	22.2768
DBI	196.998	219.105	165.843	159.928	193.159
MUC6	0.146398	0.0633271	0.0207261	0.0794917	0.103797
C14orf28	0.905529	1.67022	1.30122	0.93682	1.51532
FAM229B	2.54845	3.14521	2.37061	1.72431	3.01516
DNAJC27-AS1	0.0108257	0.0230536	0.00674619	0.0181207	0.00713968
TMEM74B	20.7875	19.7814	13.4638	15.3572	19.1248
PI4KAP1	19.3458	15.3339	11.0608	14.0531	14.9255

RBM33	5.19273	4.87153	3.22847	3.7453	4.63922
BROX	1.46287	0.960748	1.12628	0.92728	1.05281
MOB3B	0.588531	0.596267	0.513889	0.616615	0.472106
HGB1	0.210657	0.288456	0.322459	0.17552	0.533215
LOC151009,LOC440894	4.24929	4.10166	4.84564	3.59932	4.38056
IPMK	3.1641	1.87485	1.77036	2.05137	2.13744
SLC25A40	2.87369	2.51816	2.22195	1.98405	2.53852
KIAA1432	1.68004	1.75863	1.40393	1.24524	1.69336
ARSK	1.17861	1.32164	0.727593	0.691531	1.33738
MGC2889	0.0207384	0.0151087	0.0655128	0.0173113	0.0142773
PABPC3	0.0213449	0	0.0531031	0.0355328	0.028561
ACAT2	15.1905	12.0521	13.2799	12.387	11.958
YY1AP1	22.7932	23.1996	20.8598	17.7995	21.5739
SENP7	1.43782	1.3454	1.13185	1.11426	1.36202
GSTM5	0.167604	0.287432	0.092231	0.124377	0.314716
NDUFAF4P1	0.0172402	0.0259419	0.0334509	0.0288724	0.0371942
DOK7	0.0218918	0	0.0522268	0	0.0259586
RNF38	3.79577	3.07245	3.16092	2.80597	2.9467
GOLPH3L	6.53605	6.2177	6.54689	5.56323	5.69365
TNFSF9	23.2509	22.814	16.7337	17.3933	19.8741
ARSJ	2.59584	2.40976	1.69044	1.66142	2.53407
LOC441204	0.0758894	0.0653727	0.0572461	0.075847	0.0410919
MAPK3	77.9179	92.7058	67.7725	58.4696	83.3766
PRKCQ-AS1	2.88255	2.12076	3.17352	2.24217	1.92013
DDIT4	187.361	58.363	264.97	161.463	56.6966
QRICH2	0.906625	1.01355	1.11144	0.894125	0.904728
TCP11L2	0.61829	0.725464	0.47977	0.428586	0.832755
SLC25A1	196.234	180.909	151.167	142.907	174.115
ZNF700	5.06322	4.25237	3.7939	4.13266	3.86044
IMPDH1	99.8993	103.089	98.1614	83.8604	90.2603
UOCRQ	106.548	129.99	92.6382	81.6344	116.767
DTL	3.39457	2.18486	2.46363	2.81287	1.52368
CEP78	4.58872	4.96392	3.96781	3.64264	4.82216
ZNRF1	15.0999	19.193	11.2068	9.43966	19.9668
ATP8B3	0.38375	0.396124	0.538313	0.449036	0.393044
ZNF460	0.482384	0.402523	0.486085	0.443195	0.361553
ID2	1.12838	5.49394	1.39641	1.819	3.63004
LOC388692	0.386686	0.394524	0.416812	0.415403	0.340756
CCDC170	0.0247134	0.0411636	0.0154441	0.0204155	0.0279757
DDIT3	113.567	96.2961	150.824	86.7859	91.0446
ZBTB32	0.0979836	0.103588	0.140974	0.0976144	0.0952955
TCF19	9.0657	9.44227	7.81425	7.80847	9.02378
AIP	70.9619	65.3008	65.5846	53.1195	59.3335
TMEM55A	9.88737	9.48626	7.69439	7.22551	9.81618
GNAI2	63.0156	78.9188	51.0705	49.4272	69.4142
SFTA1P	416.648	318.685	474.022	323.58	329.474
ALKBH5	58.4806	68.3528	44.4013	41.4844	64.6486
LOC645166	4.24328	5.60619	4.47675	3.42484	4.05341
RAB27A	1.84365	2.04847	2.16321	1.46265	2.25505
CDKN2B-AS1	0.278912	0.173105	0.133042	0.124424	0.215713
TMEM63C	1.37324	1.78909	1.44497	1.27018	1.59726
TMEM135	2.87859	2.81509	2.13029	1.83276	2.94074
ZBTB34	3.19253	2.52935	2.94791	2.58411	2.57062
CLDN18	0.04945	0.0100788	0.0707804	0.058683	0.0285924
FEM1A	14.0911	19.8337	16.8694	13.7867	15.5092
INTS12	12.5334	14.9344	14.5385	10.1085	13.4016
NGLY1	20.1925	20.8086	15.8095	13.3147	20.9041
HSPB11	41.3541	35.4844	38.0648	30.3752	34.7284
ZDHHC18	29.8101	31.1859	28.0611	24.9471	26.8801
CCNG1	51.8424	67.3182	57.9656	41.3283	62.6695
ALG14	5.41642	6.46827	6.81785	5.38718	5.63737
MKI67	12.7228	9.61088	10.0706	11.106	8.54007
MAP3K6	3.49406	2.8937	1.96681	2.28269	3.39497
PGM1	44.7334	55.062	38.4673	29.5467	56.1511
ARID4A	0.843434	0.719862	0.606184	0.637146	0.719882
RMRP	89.3155	146.586	92.4306	56.6993	111.48
ZNF674	0.503049	0.433883	0.746437	0.39387	0.400294
ROCK1	3.53074	3.10817	2.58232	2.67744	3.0965
HSD17B11	29.3262	37.171	34.416	24.8184	34.7255
SPOPL	1.82075	1.6806	1.39237	1.37961	1.53972
STX5	26.9951	31.131	32.3947	24.4722	25.0276
LOC100216545	1.91083	1.69217	2.12608	1.46586	1.55193
MARCH9	18.1478	15.5606	16.5461	14.4044	15.2696
CHRN1	38.7914	34.6041	39.609	29.3801	37.9729
SNORA38	17.851	0	4.29142	0	0
MTSS1L	17.5239	14.7123	15.5282	13.817	13.6661
YEATS2	16.2305	13.0277	11.3747	11.1445	12.7013
CAMSAP3	17.0642	12.0904	14.1533	13.8061	10.8902
RRN3P3	0.658556	0.602905	1.30808	0.872743	0.503153

LOC729732	1.724	1.59336	1.41781	1.81593	1.03678
KATNAL1	0.44934	0.438176	0.267042	0.310969	0.396541
MAST4	0.859945	0.78498	0.636562	0.530432	0.980513
CCNJL	7.1415	7.59858	6.34053	4.89387	8.02615
LEPR,LEPROT	6.93613	8.28496	8.32361	5.8235	8.24649
WDR41	13.1006	11.3562	15.006	10.4915	11.4084
DST	1.50696	1.63218	0.826377	1.11002	1.56929
SPTB	0.846921	0.408244	0.867227	0.740816	0.437699
FAHD2CP	5.81694	6.84662	5.06034	4.55587	5.50991
HLA-F	69.4587	77.376	66.7526	56.395	63.8742
RALGAP2	1.33323	1.36268	1.11297	0.946167	1.44271
CBR3	17.9937	23.6787	14.7927	13.3168	22.2472
LAMC3	0.0659418	0.120983	0.133861	0.0991086	0.110129
SEC61G	401.283	430.573	320.001	259.812	400.145
RNF216P1	10.8902	13.2795	10.7571	8.65589	12.269
INPP5J	3.4131	4.1384	2.61964	3.01209	2.93638
RTKN2	0.249885	0.18463	0.236765	0.209268	0.212011
ZNF185	0.190669	0.208411	0.128248	0.134657	0.165112
SLC26A11	7.70751	8.9204	7.0049	7.52236	7.62789
C5orf38	6.22866	6.67719	7.32916	5.51046	6.65987
GAB1	0.381325	0.289145	0.289801	0.29024	0.286035
ACTA2	2.23317	4.00832	2.25367	2.0353	2.97809
HSPA1A	2.4832	4.39898	2.02634	2.22468	2.8421
RNF43	0.0302749	0.0838194	0.0148404	0.0302813	0.0387059
NEURL	7.75496	5.2359	8.39646	6.37241	5.31334
EXT1	15.4079	16.3123	10.9125	11.1265	15.9945
CLK1	42.7931	22.3698	29.4248	29.0397	21.8726
CD40	16.3031	20.3938	15.7903	13.3209	18.0098
TSPAN14	4.42881	4.93036	4.79783	3.66848	4.33063
MYL6	824.986	1016.23	811.081	634.84	915.832
HMGCS1	3.50524	2.79891	2.67404	2.41287	3.00194
USP28	6.47024	4.73595	5.00702	4.54886	4.93647
CAMK2N2	66.5502	67.1016	58.5555	52.9554	59.8238
ATF7	3.82399	3.22679	3.19567	2.94957	2.69399
PIM1	22.3131	20.7884	17.3899	15.1927	18.5272
FGFRL1	14.2814	12.4958	13.2965	11.5116	12.1221
ULBP2	14.7034	10.9927	14.424	11.4363	10.9311
SLC7A10	0.0902314	0.182187	0.19032	0.0752445	0.168454
LOC100128822	6.2807	8.45049	10.0236	6.09264	7.87246
ATL3	10.529	11.4541	10.1295	8.56832	10.5171
LAMTOR4	310.582	359.106	284.326	250.579	310.667
LCA5	0.393235	0.262689	0.351753	0.31868	0.283631
HDAC5	17.4529	18.1986	16.5696	14.3663	16.3019
SMIM7	25.6176	28.411	29.2655	21.7235	24.2622
TM7SF3	9.65406	10.4657	9.49823	8.09968	9.65347
EHD4	16.866	17.3546	14.0588	12.5643	17.0728
LENG1	12.8275	13.2153	14.0392	10.1786	11.7917
PTPRG	1.48041	1.19717	1.35128	0.956957	1.35084
NR1H2	36.9177	46.7324	31.3278	29.4578	41.6903
MED16	30.7134	29.6111	28.6395	25.5807	27.2823
NCAPG2	12.0186	9.35513	10.7497	10.0813	9.5784
GPC4	6.32637	6.72269	6.64804	5.49769	6.20606
TRIM50	0.0446603	0	0	0	0
CCDC134	5.59153	5.00438	3.70319	4.14429	4.5693
ZNF484	1.075	1.40722	0.661258	0.703694	1.2615
ZNF81	0.180557	0.124598	0.178238	0.200506	0.110814
MEX3C	6.18499	6.44437	8.61122	5.69691	6.07561
IGSF8	19.8213	22.4092	13.3207	14.6616	21.3694
C1QTNF2	1.32328	1.26871	1.09265	1.23396	0.984901
SPC24	10.1917	10.8104	8.88485	8.59653	10.3198
ANKRD9	22.0806	18.4443	16.8618	14.0902	20.9538
PRICKLE3	19.5435	14.7209	15.325	14.597	13.5967
ADORA1	2.41328	2.29343	2.22626	2.16686	1.89159
PLCG1	16.8961	15.8658	12.8884	12.301	15.8211
CCDC150	1.49926	1.44828	0.926827	1.26165	1.11024
TPM2	91.8217	124.617	73.1059	59.3777	132.69
PI4KAP2	16.8155	15.3331	10.99	12.8987	14.2002
C1QTNF9B-AS1	0.100576	0.175096	0.347349	0.209269	0.108767
RBM15	6.00351	4.79317	4.65643	5.02398	4.13722
BGLAP,PMF1,PMF1-BGLAP	46.7219	51.6145	46.8012	37.366	46.6929
BTG2	9.72915	12.4886	11.1306	8.19581	11.8234
NPC2	240.671	339.767	247.689	200.573	287.537
SLC16A7	0.173269	0.204763	0.170552	0.159705	0.160378
ACBD4	12.0504	10.4212	10.5783	9.41377	9.44391
TPBG	11.7121	12.1904	12.4837	10.2184	11.7595
ITPKA	38.0224	38.2521	30.1123	28.715	34.4469
PIGA	3.19031	2.89587	2.92406	2.54757	2.74512
PIAS2	11.6688	12.7824	8.33928	7.58859	13.0206
MICAL2	5.22877	3.84566	4.41234	4.3807	3.72957

ERBB3	4.71475	5.59702	4.43583	4.20763	4.60627
LOC100379224	1.80948	2.06693	2.39961	1.5576	2.03879
ECM1	2.08576	1.76847	1.01141	1.73048	1.486
MMD	2.45609	2.6777	2.54136	1.88237	2.79027
CRELD1	12.5293	15.7725	10.055	9.48753	13.3751
RAG1	0.0667459	0.0782176	0.0803189	0.0669401	0.0690005
ARHGAP23	3.10989	2.97156	2.0912	2.38862	2.71402
B4GALT3	36.4383	34.1667	32.9362	28.7272	31.2338
ERCC6,PGBD3	1.82413	1.41415	1.85211	1.3715	1.70677
FOXO3	7.18797	5.73324	5.57086	5.10255	5.84597
PHF17	8.52499	7.37919	7.36024	6.98699	6.83638
SCPEP1	13.1911	11.1004	10.5355	9.62058	11.8555
NARF	72.0041	96.6662	76.5424	59.4604	84.8672
BHLHA15	2.61428	1.91087	2.72631	2.01456	2.06018
CACNB3	24.4522	26.9796	21.2399	18.2476	24.5895
RASSF4	4.35823	5.26505	3.3653	3.39946	5.20139
ARHGEF35	1.77463	1.64803	2.03668	1.61453	1.498
H1FO	176.884	221.944	229.333	152.447	212.504
INADL	1.93467	1.74207	2.09335	1.43156	1.78233
DCLRE1B	2.7085	3.48464	2.71905	2.03149	3.38339
CRY2	5.30358	6.14303	3.72423	3.85636	5.85514
LOC100130776	79.9743	76.1163	76.1564	60.5584	69.0178
IFFO1	0.0309745	0.0406248	0.0918698	0.0513049	0.0374137
POU6F1	1.85441	2.00742	1.89633	1.56643	2.03666
NDUFS4	81.5132	78.1807	70.4046	58.1232	73.669
MT1F	113.947	122.217	69.6834	80.6547	111.064
WBP1L	5.5579	6.96072	5.82686	4.85334	6.11109
ARHGAP19,SLIT1	2.48059	2.57611	2.19954	2.03647	2.32936
SULT1A2	0.147317	0	0	0.0762584	0
PITPNM3	0.36222	0.232144	0.183848	0.243811	0.295429
FAM109A	7.647	9.30498	7.56218	7.02092	7.62159
BBC3	35.5926	44.5623	69.6624	35.1755	39.1206
SMPD1	6.86593	8.33986	5.73125	5.99261	7.07824
P4HA1	31.7688	37.7715	28.2415	20.789	38.8335
SMYD3	24.4805	26.1618	21.9905	16.5817	26.606
UPRT	6.50072	7.34533	4.47534	3.83371	7.94905
LOC729603	0.194836	0.24504	0.325549	0.176491	0.228548
PTPRR	0.231273	0.49252	0.240696	0.303212	0.181194
LSMD1	48.5185	70.986	43.0124	40.3852	56.6249
USP37	1.87559	1.11303	1.28295	1.23535	1.33677
UBXN2B	5.91169	6.34356	6.99464	5.42301	5.30979
PVT1	34.1007	41.515	29.9889	26.8591	35.2454
DTX3L	2.12252	1.63838	1.7268	1.60906	1.43015
PSRC1	32.8802	28.2986	34.4895	28.068	24.1932
RILP	21.9085	26.3528	17.2703	16.4127	22.1462
DPY19L2P3	0.260542	0.180779	0.282201	0.168333	0.174666
ASB8	5.66659	7.00775	5.23806	4.63168	6.40657
ZDHHC16	24.6734	27.5771	26.3697	21.1796	23.8728
TJP3	0.685991	0.579747	0.721613	0.694864	0.463092
CORO2A	6.32231	6.85062	5.59764	4.99938	6.62782
POP5	27.9135	35.7102	28.799	24.2112	31.0121
PET100	180.798	165.614	145.854	144.066	138.068
TNFRSF14	16.3898	27.1223	14.9457	13.1596	24.4939
KIAA1109	0.956849	1.06417	0.87133	0.764364	1.02738
FAM187B	0.062593	0	0	0	0
RPIA	19.633	16.5553	19.4996	15.1993	16.8697
KIF18B	13.4486	10.1892	11.0303	12.0526	8.67745
LDHA	1043.87	1170.95	905.909	662.225	1179.09
C17orf67	1.25414	1.5159	1.91151	1.43188	1.1257
MOSPD3	51.5649	57.6603	45.3008	38.6005	57.7122
POMT1	25.1446	23.3401	23.2435	20.7679	20.9171
COX16,SYNJ2BP,SYNJ2BP-COX	33.7085	39.2638	32.301	27.4638	35.8624
LOC399715	0.606316	0.398908	0.213858	0.498065	0.371341
HIST1H3H	2.31654	1.38837	2.89402	2.79323	1.10258
FBXO8	4.44221	3.72872	4.18882	3.16976	3.77925
PTPRK	1.47348	1.5428	1.47188	1.18295	1.52812
CADM1	6.21822	6.49961	5.83931	4.55876	6.7399
ZNF571	0.937487	0.807537	0.923589	0.893851	0.802134
PTTG1	217.358	200.614	218.374	170.661	177.367
CCM2	21.7712	18.8377	22.1098	19.4514	16.9906
DOK3	4.74772	2.611	3.82445	4.18442	2.9111
STAM2	1.88807	1.7697	1.93129	1.60003	1.61379
CCDC124	274.61	230.024	232.313	199.461	226.017
MADD	7.00226	7.04004	6.15047	5.45458	6.52302
CLDND1	27.8863	23.5306	25.2514	21.0073	22.5133
ARNTL	4.56134	4.17083	4.51579	3.97299	3.9078
VN1R1	0.192512	0.284984	0.425555	0.159823	0.426923
HUS1	7.0463	5.91625	5.36176	5.31376	5.69715
ZNF165	9.8833	6.97226	12.7013	8.99126	6.20376

LOC100288069	1.49865	0.7754	0.960465	0.891471	0.986045
CD302.LY75.LY75-CD302	0.320251	0.493888	0.376945	0.259219	0.410943
LOC100507547	1.57557	3.31928	2.49176	0.956195	3.55314
MAGED2	40.3655	44.2086	37.4136	33.7222	40.259
SLC26A6	10.4881	11.7465	7.06284	8.71324	9.68375
HAS3	1.31448	2.13454	1.00937	1.12688	1.8945
RHBDL1	3.74345	2.79776	1.84106	2.87754	3.76106
DGKG	2.35403	2.54502	1.85285	1.80649	2.28756
LCLAT1	3.14708	2.88834	3.08231	2.72093	2.52093
POLDIP3	36.2671	29.757	30.3116	28.0451	28.3524
SRF	28.0156	23.0795	26.1874	20.9205	21.247
TP53I11	14.964	13.863	14.5787	13.6613	12.7738
MOSPD2	1.06918	0.885807	0.856199	0.83582	0.753532
NUDT15	9.47019	11.5053	9.39539	7.30793	11.0972
ZFPL1	42.2948	45.0016	40.0695	36.5722	38.9125
CKAP2L	3.26278	2.72287	2.7401	2.97899	2.46696
CYP51A1	33.2244	30.5784	29.1127	23.7213	33.3024
AGAP4	1.31634	1.24072	0.934393	1.3744	0.872077
ECSIT.ZNF653	47.5001	45.4122	46.3804	37.1974	38.0048
MTERFD2	8.08112	9.54964	8.85003	7.08734	8.34979
AKAP6	0.013569	0.00560157	0.0195455	0.012897	0.010526
NUPL1	14.0772	9.38061	12.2912	10.8444	10.0322
LSR	48.2062	50.686	53.4394	40.8823	47.1456
CHN2	0.437865	0.514791	0.586443	0.453714	0.405917
ERAP1	2.84889	2.79905	2.97318	2.48458	2.83913
PLCD1	4.13685	5.68602	3.12131	2.97769	5.19111
SELK	61.6585	63.1125	58.1288	51.8267	54.021
DAPK2	0.952756	1.0139	0.714725	0.834855	0.823256
HOXB-AS3	0.817158	0.804532	0.894939	1.1671	0.534533
PPP1R13L	3.3154	4.12229	3.05359	3.32833	3.25064
MRPL33	118.191	135.3	130.906	92.1032	124.773
ARID1A	5.65825	5.13848	4.69605	4.97504	4.66279
IMP3	174.025	137.264	127.598	122.13	132.202
CLIP2	20.1871	22.026	15.3951	14.4987	21.5006
ADCK2	43.2923	41.6608	48.0547	36.9436	40.1371
TMEM234	5.32485	5.62078	4.39205	4.16454	5.42846
CDS1	1.82865	1.87488	1.84019	1.64738	1.72402
PEF1	35.6851	33.3283	38.4974	28.7851	31.2859
TMC8	0.129974	0.251046	0.157272	0.108662	0.264931
SCYL1	48.8434	46.7154	46.4309	44.346	35.9273
GAS2L1	16.0002	19.5217	14.8618	13.3248	17.2955
KCTD11	19.0968	15.9333	14.3644	13.075	15.33
COBLL1	0.15151	0.0916635	0.123135	0.12635	0.080979
PTPDC1	1.93252	1.39362	2.20012	1.95583	1.27592
PON1	0.0370927	0	0.0310805	0.0205737	0.0169642
HSP90AB4P	0.078377	0.0325529	0.0387871	0.025877	0.0915122
KIAA0226	3.52265	3.6424	3.13271	3.21225	3.24759
FMR1	5.76737	5.11601	5.34503	4.72916	4.43784
ZSWIM1	4.53327	5.63326	3.92474	3.29344	5.03141
GNAI1	4.08884	3.78483	3.91874	2.88969	4.23613
FBXO42	9.10782	10.024	6.63114	6.36795	9.85647
BCAR3	7.44479	6.27079	6.85841	6.0574	6.15128
RNFT2	2.50959	2.08564	1.87674	1.88269	2.04346
GADD45GIP1	237.25	237.356	219.058	182.223	216.815
CNNM2	3.6763	3.99369	2.80224	2.61852	3.22551
ZNF395	16.5589	17.9832	11.0212	11.1793	18.0293
PDE7A	2.16287	1.85447	1.90779	1.93466	1.76533
LAPTM4B	0.855801	1.4124	1.44597	1.15398	1.08805
CNN2	141.982	127.137	134.228	111.844	124.578
TMEM185A	5.95755	6.95099	5.80185	5.2947	5.97962
SLC41A2	0.668713	0.595946	0.618329	0.493374	0.541103
DDOST	167.379	193.739	181.269	150.587	169.095
SOAT2	0.0817566	0.245052	0.0398275	0.164921	0.0405763
SORBS3	121.263	125.855	108.643	100.473	113.529
NCAPD2	35.1852	30.9812	35.4968	29.2641	29.0366
PDK3	7.5242	7.05763	5.85563	4.05201	8.18991
GIT1	40.277	47.4788	38.342	36.6143	37.6825
PPP1R3B	28.6007	12.6129	19.3067	20.5592	11.139
ESCO1	3.10002	2.42025	1.76666	2.31614	2.58097
UHRF2	6.67844	6.64163	5.59121	5.23454	6.7034
RIT1	6.26048	6.90346	5.07295	4.70348	6.76637
LOC440894	1.7056	1.69525	1.78398	1.51251	1.37018
TAB1	14.8182	13.2277	13.129	11.788	12.3725
ELL2	6.45532	5.65596	2.8067	3.714	6.32847
ARHGEF28	14.1643	8.49175	13.2655	11.426	8.89096
MTL5	2.33729	1.61142	2.41311	1.88596	1.9869
ACSL3	13.1479	11.766	10.0661	9.89145	11.8046
RNASEH2C	22.8785	25.1686	21.1295	17.6006	23.1895
AHR	0.23536	0.38829	0.310346	0.197058	0.32712

SIAH2	21.6276	12.9206	21.1553	16.4794	13.3455
SNX12	16.1751	20.5192	16.1283	13.7682	18.3892
LOC283693	0.172517	0.0235771	0.0632546	0.144405	0.0215606
PLIN2	49.7116	45.8821	35.3824	35.5147	45.681
FAM104B	5.91805	8.31043	6.64219	4.92735	7.19623
ARHGEF6	0.396788	0.509616	0.287501	0.293737	0.474956
HOMER2	0.122653	0.206228	0.277671	0.151314	0.172662
ARFGAP3	7.83957	6.92913	7.64656	6.048	8.03526
MYO1E	6.85724	5.517	6.24337	4.74159	6.33251
POLR2J3	3.12479	3.30633	2.88547	2.72227	2.83696
TNRC6C	0.500749	0.41778	0.599321	0.445003	0.366988
LSS	16.782	15.9496	17.5255	14.3978	15.279
IVNS1ABP	19.5138	19.9743	14.6892	14.653	19.4374
CRKL	15.0561	14.6907	12.3424	11.0995	14.0643
C7orf61	0.584719	0.344753	0.265109	0.361627	0.368356
ZNF22	8.73991	9.65504	10.5134	6.80511	9.65373
SLC6A16	0.21861	0.258411	0.294613	0.335086	0.227637
HEPACAM2	0.0210252	0.0151179	0	0.0174948	0.0142113
KIAA1211	3.07639	2.91556	2.39868	2.45103	2.79784
ATG16L1	6.39555	5.22285	6.00196	5.47311	4.67406
C15orf39	7.01767	9.82702	5.82247	5.82762	8.5825
MARVELD3	1.36502	1.17344	1.39554	1.46302	0.928867
PRADC1	17.6269	18.4865	14.5687	12.66	17.8041
STARD3	30.4377	30.4425	28.7977	25.0139	28.2231
CENPO	3.71552	3.12763	4.49479	3.56497	3.02489
MLL3	1.87652	1.68327	1.23582	1.35082	1.60489
TMEM52	50.9318	47.3477	36.8986	37.2742	45.2045
RNF144A	2.44291	1.96061	2.11558	1.92215	1.81279
FAM102B	1.86887	2.37099	1.75446	1.4975	2.22541
OR7D2	0.0313571	0.16274	0.0298455	0.0526896	0.0875317
ZNF582	0.0624799	0.0129153	0.0564465	0.0593901	0.0243329
GRAMD1C	0.880442	0.958369	0.590221	0.645011	0.843595
NBPF16	5.22572	6.0022	5.1214	4.77259	5.06172
ICAM1	41.1343	33.3916	27.0252	30.8684	29.6681
EMC9	40.5157	36.8772	43.1818	36.5727	32.5417
DDB2	23.056	34.1999	22.4869	17.3447	33.0614
PCMTD1	3.67263	3.18387	2.56459	2.71546	3.03199
ELMSAN1	4.36132	3.58624	2.6984	2.91201	3.8273
SIN3A	5.36354	4.66641	5.19805	4.75663	4.35447
KIF15	2.72588	2.59251	2.61947	2.61616	2.07618
CAMTA1	70.1186	60.9212	67.0795	56.2332	59.162
GFOD1	1.3049	1.37084	1.13221	1.25163	1.16799
PAQR5	3.03819	3.29417	2.74146	2.22892	3.67573
ACADS	59.2601	60.221	49.521	43.7889	58.0202
PNRC1	45.8474	26.6207	32.017	31.604	28.2019
RASGRF2	0.0364815	0.084846	0.0528948	0.0374094	0.0455218
FAM151A	0.293474	0.23881	0.373379	0.163173	0.435046
EPB41L1	5.06223	5.6293	4.7005	3.98784	5.41442
C1QTNF4	0.451579	1.04235	0.345462	0.125374	0.86296
TMEM39A	4.48567	3.88963	4.62206	4.15688	3.65672
DDX26B	1.48868	1.2125	1.12873	0.90343	1.49324
SCRN2	54.3626	51.8948	42.5506	41.15	49.5845
ZDHHC4	40.4579	45.5185	42.6701	33.7687	40.1444
UBE2C	354.284	295.023	318.13	287.153	253.376
SPSB2	8.86625	10.8024	9.76135	7.29267	10.023
DIP2A	4.64552	4.27781	3.99878	3.62452	4.39302
PRCP	33.0176	44.187	35.4211	26.6269	41.4471
KDM2A	12.8627	13.4322	10.2663	9.67518	13.0074
LOC100129726	0.0199772	0.0276743	0.0488544	0.0332251	0.0516648
SCAND1	160.569	147.693	186.714	128.234	145.636
RNF34	9.40437	8.95171	10.0341	8.35405	6.7931
HERC3	3.69221	3.23747	2.46091	2.19836	3.97211
WDR45B	53.9368	55.2757	41.7209	37.5853	55.7217
EZH2	16.4295	11.6687	25.0875	18.9456	10.621
PGRMC2	18.4761	19.0882	17.6868	15.3851	18.9392
SNX22	0.397632	0.489098	0.447712	0.238382	0.516588
STRA13	75.3219	97.4941	75.7675	64.9587	82.7911
MIR155_MIR155HG	4.71981	3.24618	5.7702	3.72065	3.39235
TAS2R20	0.463712	0.311952	0.324482	0.359658	0.435385
STAG3L4	6.36353	6.23232	7.36151	5.65184	5.61951
GBE1	27.0182	36.5296	26.0721	17.4274	37.0479
MLL4	8.39889	6.70079	6.87595	7.22191	6.14971
RPS6KA1	22.6126	25.829	20.8631	19.8336	24.422
PGAM1	519.419	590.129	409.685	358.29	580.46
CD79A	0.618453	1.10194	1.03761	0.519217	1.01759
PEAR1	1.81101	1.81619	1.26311	1.37922	1.7223
TNFSF12,TNFSF12-TNFSF13,TN	19.385	18.4317	16.3193	14.3062	17.1272
HTT	5.09825	5.28979	4.16059	4.28811	4.92923
ARHGEF40	3.08182	3.08758	2.24047	2.34446	2.71061

ARL15	1.25731	1.51974	1.343	0.879723	1.53011
SAV1	15.0491	16.6584	12.8681	11.2077	15.4213
TMEM258	552.606	558.474	504.238	413.802	508.881
RLF	5.9617	4.11477	3.97843	4.12682	4.05663
TSPAN13	5.58262	5.54429	5.30879	4.78846	5.1532
CTNNB1P1	8.10532	8.80004	7.9698	6.95381	8.06721
LOC389906	19.7607	20.3415	21.945	18.4474	16.8683
FAM71E1	4.95134	4.14079	4.89243	4.516	2.68149
POLE4	87.5726	102.433	79.2916	67.4724	89.8206
MMS22L	1.38279	1.00271	1.45267	1.32945	1.06377
PRKD2	20.7984	20.6398	15.106	16.7663	18.7976
MYO15B	0.575323	0.777399	0.362834	0.527098	0.66595
B4GALNT4	16.9151	13.3084	14.7983	13.4412	13.7301
LTN1	1.20621	1.34359	1.15039	0.924788	1.19213
CD276	29.4709	26.411	23.8815	23.66	23.8335
ZFYVE20	3.67259	4.36301	3.5821	3.22819	3.73182
PLAG1	1.37826	1.45695	0.990078	0.937423	1.58012
PDIA3	111.285	123.528	109.517	88.6769	121.288
IFIT1	0.100901	0.195605	0.134106	0.120271	0.190294
EGLN1	20.5544	23.4577	14.3965	12.9769	24.4995
FOXM1	27.2963	26.0086	23.8454	23.8148	22.9919
TTC9C	27.4531	21.3286	26.0312	20.2439	19.7605
AXIN2	0.62003	1.10017	0.576364	0.500841	1.13055
ZFAT	1.66146	1.78149	1.41465	1.26997	1.73811
NCOR2	11.1401	9.73522	10.6194	9.63889	8.65377
EVI5L	8.536	6.23432	8.21243	6.78215	6.81148
FOXA1	1.35886	1.89126	1.17871	1.20833	1.76561
ARHGAP44	3.0396	3.41027	2.95596	2.64325	3.16634
PRKAG2-AS1	15.2703	18.689	19.0495	13.2633	19.1728
RING1	42.7483	44.5386	38.5877	33.8937	41.0251
RNF213	1.34764	1.48476	1.18119	1.18462	1.31458
ZNF223	0.882819	1.3545	0.976581	0.683142	1.35522
KLF6	10.3462	6.48415	11.3024	9.119	5.4479
TMEM65	6.28648	4.65978	5.19029	4.15133	5.5247
MEIS3	67.1439	71.2735	63.71	56.841	64.331
PKD1L2	0.0771751	0.0910043	0.108856	0.05966	0.0910966
WNT4	0.419432	0.48612	0.307027	0.330754	0.416514
IRF2BP1	22.7573	19.2464	24.5076	21.5464	15.1967
ST6GALNAC6	90.5707	130.023	99.5219	79.0793	111.155
SEL1L	4.23378	3.94269	4.61371	3.85166	3.63076
TMEM59	69.4762	79.2012	73.725	55.3698	76.1958
KXD1	158.568	153.153	137.78	121.175	140.35
KAT2B	1.58702	1.42656	1.68938	1.33671	1.40264
C6orf141	1.92462	1.61488	1.49097	1.06407	2.17527
GPC1	37.1269	39.6351	31.812	31.3452	34.0984
TAF9B	8.74707	9.98023	8.19323	6.54134	10.0858
C19orf10	145.517	151.68	143.301	120.296	131.577
STAG1	3.51741	3.27244	3.61578	2.85654	3.35902
SMG7-AS1	0.0740137	0	0.092116	0.0525777	0.056426
LOC646471	0.340016	0.317625	0.304578	0.275276	0.32552
DGCR6	24.6874	28.3524	22.359	18.6198	27.5301
LRP1	7.4339	9.62654	5.22661	5.34659	9.02725
RND1	0.762506	2.1922	1.15222	1.22841	1.59593
MFSD3	48.4609	56.3169	49.707	39.0411	55.5546
TMEM214	30.146	28.3285	28.1007	26.0046	25.8647
DYRK2	3.73681	4.24964	2.93752	2.94016	3.92357
SAP30L	2.97707	2.88284	3.32479	2.70637	2.89511
TROAP	40.651	47.2747	47.9135	39.5054	38.6864
LOC100270804	0.300375	0.568698	0.406577	0.319306	0.35878
CPQ	8.92317	8.94383	9.5195	8.00351	7.74103
EXD2	4.98909	5.37421	4.04205	3.94878	5.01586
PRR19	7.63628	7.96659	7.28213	5.91385	7.59848
GPR161	2.55398	2.66628	2.54448	2.19422	2.3558
DLX2	1.80185	2.12216	2.18486	1.80577	1.45185
LATS2	4.27456	3.57549	4.19767	3.73097	3.32422
ZNF630	0.496218	0.424723	0.698417	0.494282	0.446593
GOLGA4	4.09806	4.11002	1.13896	3.36931	3.88158
C6orf89	4.83673	5.74501	5.26248	4.6739	4.72461
TMUB2	12.104	10.5537	11.5548	9.64705	10.802
SLC25A42	4.2459	3.61619	4.57848	3.42782	3.81131
DCP1A	4.22806	3.01256	3.83423	3.38037	2.81601
BAIAP2L1	27.8249	28.0123	25.5835	22.7468	26.7199
ZNF511	30.5685	41.7168	28.4225	23.4207	36.2624
CBX4	19.4962	22.973	25.3705	19.3203	20.8873
WHSC1L1	4.75564	5.85397	4.95879	4.37064	5.11041
C18orf25	2.37125	2.12158	1.98182	1.82498	2.13167
SLC2A8	26.281	31.6702	26.3502	24.3517	24.9294
C6orf136	32.4454	24.6672	26.0948	25.2236	21.9759
HPCAL4	1.23624	0.932774	1.11214	0.832698	1.1641

RAP1GAP	4.43728	4.65213	3.39543	3.34939	4.22424
LOC654342	8.90853	11.8199	13.212	8.17862	9.15534
KREMEN1	3.03461	2.91647	2.40111	2.14821	2.92978
RTN2	14.3178	16.0301	15.4203	11.3298	14.3363
EVI2B	0.030592	0.0301871	0	0.0169425	0
FZD5	2.34547	3.0312	2.6238	1.90239	2.93013
PIDD	15.0209	17.9219	11.151	11.7887	16.7323
CDK2	31.4243	36.0062	31.8171	27.2771	34.4553
BICD2	10.6761	11.2888	10.2697	8.69096	10.1825
LOC728613	0.689813	0.552398	0.773842	0.561025	0.712637
ACER3	1.34129	1.16535	1.22469	1.0021	1.14036
SHB	12.1981	13.2545	8.48285	9.09732	12.8957
ALS2CL	8.08234	7.91221	5.4224	5.92685	7.74234
C8orf82,LRRRC24	92.9438	76.7337	101.165	76.8292	72.7221
PTOV1	65.1395	78.1643	57.0333	49.0739	75.8009
UNK	9.18008	10.7332	7.69992	7.22233	10.2228
CDK6	2.94162	2.35699	2.38297	2.24154	2.22364
LOC100652768	1.45966	2.23819	1.42651	1.83412	1.60076
FZR1	28.4575	27.4758	24.316	22.9337	24.4504
HEATR6	3.00195	3.89197	3.09862	3.04796	3.14713
COQ7	3.6894	4.07231	3.99203	3.05444	4.18004
SLC2A4RG	71.4083	68.2884	48.386	52.9367	66.5459
CKS1B	173.243	168.709	184.616	155.374	149.098
PACSN3	47.1226	46.7791	39.0896	37.6957	44.3389
LOC644656	1.34048	2.01913	2.0819	1.3038	1.71335
BLM	2.44833	2.23104	2.37583	2.35405	1.9607
EXTL3	16.9852	15.2845	13.6745	13.0494	13.9359
RAB1B	174.947	177.435	153.927	139.564	169.959
C11orf24	21.9074	22.8119	19.4655	19.2602	20.1778
RAPH1	0.767291	0.710583	1.0328	0.809237	0.68582
SH3GL2	0.0374275	0.0532357	0.0467178	0.0466501	0.0248938
MICU1	34.646	34.398	29.5342	26.9313	32.4824
DCUN1D2	3.57762	5.06777	3.49627	3.46544	4.35365
MEX3D	28.1709	29.9221	25.618	22.6235	27.5393
SHKBP1	89.631	81.0591	85.5916	75.5795	76.2055
DNAJB9	8.20648	9.60368	10.5863	7.44228	9.98574
MCM3	28.5337	30.4001	27.3052	26.1591	27.2143
TP53I13	60.9756	58.4492	60.7279	49.293	55.4143
PRKAB2	2.88968	3.59961	3.17807	2.6346	3.06207
GABARAPL1	8.53176	9.18461	7.57678	7.42504	7.89572
FEM1C	4.4231	3.53272	2.90328	3.01879	3.81648
ZER1	34.0616	39.6496	30.3084	26.496	39.2485
CYP2D7P1	1.60853	1.14373	0.789599	1.54211	1.24273
CHST6	0.0235253	0.0383307	0.0243316	0.0262414	0.0152063
ZNF493	1.24069	1.37567	0.917108	0.940273	1.43039
ELMOD3	3.8647	3.7859	4.58798	3.80475	3.33277
AKAP8L	31.4002	33.9566	23.7077	23.8741	32.1921
MARCH3	0.38058	0.440005	0.309992	0.2573	0.482458
PRR14	32.8088	28.9993	31.1213	29.0773	25.8131
PLCE1	0.0711078	0.0791849	0.052662	0.0647229	0.0649003
GPR160	19.7026	21.9101	16.649	13.0292	21.8259
SERTAD2	7.7702	6.24488	6.09888	5.77267	6.04607
ZNF433	2.03244	1.80516	1.21848	1.38419	2.1021
THAP9	1.22783	1.22187	0.837136	1.02226	1.05813
NFIB	2.7267	2.74378	2.99217	2.53342	2.57593
BTG1,LOC256021	21.2471	15.2612	17.68	15.0657	15.4554
RAET1E	0.0235994	0	0	0	0
HSBP1L1	78.633	77.0366	89.5458	69.1757	67.143
FAM160B1	2.50007	2.5097	1.91474	1.84035	2.55407
UQCR10	90.7415	99.6402	80.7996	72.1668	91.4563
SLC39A4	44.4103	42.9739	38.8001	33.4386	41.405
LETM2	2.97486	3.23288	3.96148	3.33006	2.64538
SLC17A7	0.533323	0.352023	0.386008	0.275609	0.357275
ZCCHC10	4.36695	4.04847	4.35613	4.0543	3.35242
LPIN3	4.33111	4.53088	2.9667	3.65048	4.31295
CRYBB2P1	22.3015	21.412	22.6582	16.3036	20.877
FLJ45445	0.0213441	0.0140816	0.0896749	0.035774	0
SLAIN2	3.8005	3.3723	3.46644	2.85331	3.23288
EIF2AK2	2.91912	2.14878	2.77731	2.62527	2.01443
AP3S1	50.2603	48.3962	49.1423	38.1238	53.0014
HDAC2	6.19638	6.62443	8.10514	5.54484	7.20017
CLSTN3	9.85363	11.3797	7.62416	8.3569	11.1938
PIIB	639.847	733.323	668.237	525.89	668.658
HERC2P4	0.97282	0.79795	1.40396	0.994235	1.0122
ATRX	1.96824	2.25491	0.797611	1.4726	2.22692
ANKRD20A8P,LOC90499	0.0103068	0	0	0	0
PRDM5	1.38235	1.45618	1.35377	0.947565	1.45107
SYNE2	4.05206	4.0225	2.03812	3.51334	4.12609
LIG1	24.3942	21.3831	15.7123	21.5463	19.065

MTMR4	7.58497	8.78996	6.78752	6.33108	7.97003
GDPD5	8.26598	10.274	7.59019	7.39856	9.15063
STX6	6.31472	6.37662	6.0987	5.06355	6.23775
ACAA2	38.4932	33.2537	37.272	29.495	35.6639
PTP4A3	13.8274	16.8699	10.7351	10.8193	15.854
PHF21A	3.90765	3.47075	3.28982	3.07299	3.49591
MPI	58.1699	60.0838	46.9165	41.075	60.5405
WAS	0.274378	0.25962	0.117476	0.228881	0.142955
CDC26	57.6561	63.8889	60.5414	44.638	58.9175
FAM110A	12.757	10.591	11.0752	9.51327	9.91445
ARG2	23.9381	19.0112	23.8846	21.0783	16.6361
TNPO3	18.169	15.0844	17.6837	15.276	14.4255
C11orf71	8.76087	6.07558	7.88667	6.59117	5.56876
VPS41	3.82878	2.99957	3.20638	3.16171	2.81562
TMEM60	28.4059	25.148	29.3311	23.2703	24.1963
LRRC1	3.64384	3.68326	3.78572	3.35028	3.66868
CGGBP1	8.28666	8.92145	8.69915	7.08102	8.23636
FNBP1L	5.68363	5.28188	4.88589	4.39468	5.28577
GK3P	0	0.0460418	0.0536839	0.0357942	0.0144368
MSL1	7.40297	7.33676	6.10194	6.54378	6.31516
LINC00637	0.014566	0.0403962	0	0.0486568	0
COX14	55.2114	64.0182	57.1755	48.0673	57.5565
ABTB1	18.7255	21.407	16.2948	13.9905	20.0827
CYB5B	12.4239	12.9117	12.7732	10.6669	12.1746
ZNF613	1.66548	1.75272	1.7797	1.4703	1.61055
RG55	0.341123	0.315551	0.534928	0.275397	0.375785
CISD3	14.5871	16.5947	14.9517	11.1459	15.7739
TBX1	1.90051	2.64261	1.59311	1.88417	2.08406
ADD3	3.37811	3.32318	3.40374	2.76432	3.64536
AGL	2.07843	1.99512	1.78125	1.70068	1.92901
TMEM132A	34.3587	40.3356	28.453	27.2408	38.0786
C14orf37	1.34235	1.48282	0.968995	0.843347	1.36834
PFN1	1350.36	1270.22	1309.58	1123.75	1216.7
CCNA2	22.5055	19.0461	19.7392	20.2493	17.0839
ZNF438	1.3861	1.55474	1.05139	0.791301	1.44745
DLG5-AS1	0.815526	0.681052	0.941755	0.709174	0.702389
CHKA	27.987	22.9903	27.0684	21.6244	24.037
SERGEF	23.4181	22.2445	20.4402	17	22.1906
OPHN1	2.62865	2.00158	1.87798	1.83681	2.22863
AP4M1	26.3276	29.8087	22.7607	21.2348	28.0887
MASTL	7.34519	5.18922	6.86362	6.45777	5.00827
MUC20	0.0383897	0.0909999	0.0689423	0.0854796	0.0452199
ACTG1	3501.79	3245.65	3622.8	2730.23	3125.34
NCAPH2	24.1127	23.4861	19.5639	21.0881	20.3446
NUP85	24.9335	22.8204	26.3502	22.6934	21.2109
FEZF1-AS1	3.23428	2.96472	2.54622	2.63414	3.03967
SEPT3	8.47598	10.3599	8.18955	7.81248	8.82749
SAMD10	5.25284	3.21926	4.32882	4.00158	3.86308
SMEK1	11.8084	12.7533	12.0003	10.1482	12.797
COMMD9	6.25663	6.32943	6.32082	5.26337	5.76706
BBS9	1.11125	1.33631	1.05673	0.874086	1.38169
UBE3B	6.78952	7.05604	6.80931	6.06551	6.58267
TRIM22	0.0743448	0.159929	0.111504	0.0861706	0.181996
TAPBP.ZBTB22	34.7489	36.5776	29.459	29.1954	33.9346
PCGF1	25.7741	19.1172	18.5184	19.1473	18.2841
C9orf40	12.1557	8.20611	15.3153	11.4815	8.58295
CFL1	782.267	720.89	686.096	665.833	652.822
TBC1D10B	27.6268	26.0523	23.9734	24.2509	23.7823
EMID1	8.53391	11.1778	8.72563	7.82452	9.71998
NBEAL1	0.0594739	0.0355985	0.050252	0.0110017	0.0670836
LOC729852	2.72841	2.84553	2.82935	2.01651	2.89327
MCF2L	1.84721	2.01732	1.605	1.61001	1.85225
GMPPB	7.8523	8.49015	6.35687	6.19087	7.39588
STEAP2	3.23686	2.53871	2.65964	2.69466	2.6073
LRRC45	10.1801	11.0696	8.72608	8.93482	10.3494
CCDC74B	1.32242	1.46022	1.21249	1.38347	1.4272
MIRLET7DHG	0.689638	0.399738	0.642622	0.544463	0.374911
TP53BP2	15.3012	12.8261	9.78077	11.411	11.9915
TRIM2	1.83752	1.92765	2.18904	1.6829	1.89561
ARNT	5.87644	6.49117	4.79111	4.31955	6.45442
ZBTB44	3.09161	2.77058	3.11855	2.37719	2.76182
SIRT1	4.07538	3.92881	4.43923	3.22665	3.70968
ARHGDI3	0.437368	0.832382	0.289004	0.242604	0.473168
LOC100288911	10.665	12.2555	10.2243	8.71174	10.8405
CARD10	8.3444	8.11583	7.86964	7.32388	7.11417
PCDHB8	1.53237	1.93944	0.909851	0.900051	2.11687
TICAM1	19.1352	15.5481	16.664	15.7803	15.1116
KIAA1984	0.205027	0.169034	0.198164	0.0611455	0.288712
NUDT1	56.9464	53.5941	47.8258	46.7004	48.2534

HELZ2	3.24694	3.39253	2.67277	3.06475	2.98962
FBXL16	30.238	26.0617	28.3145	26.5429	25.4332
OPA3	3.62506	3.06387	3.38379	3.07058	2.75123
YIPF4	15.5745	15.0777	17.3287	13.2431	14.1877
RGS14	5.20339	7.57446	4.63114	4.79908	6.41989
PAN3	4.5671	4.15666	3.75868	3.86536	4.07859
FAM171B	0.169071	0.210315	0.235091	0.183778	0.238883
LAMB2	14.0689	19.1016	11.3183	11.4061	17.9281
R3HCC1	45.3725	60.5902	42.1216	37.8018	53.4539
SLC16A2	4.96212	6.04706	3.94317	3.9754	5.63874
SLC2A3	21.6517	15.5209	12.6675	13.5661	17.5743
AQP7P1	0.0239008	0.0110508	0.029488	0.026636	0.0307928
PLEKHA5	2.0321	1.2856	2.02964	1.76763	1.50925
CENPA	19.9694	17.5208	26.3958	20.6839	15.8674
PIP4K2B	8.38118	7.86642	7.45307	6.94612	6.95221
DNAH14	5.8394	4.83174	5.42692	5.72927	4.52119
TTC9	0.776434	0.647244	0.60053	0.462445	0.780039
SAP130	7.73688	7.94981	6.00807	6.72995	6.60043
UBAP1	20.2729	22.7129	18.3557	15.789	21.4094
REXO1	18.929	16.9609	16.8559	16.9839	15.3449
NMNAT3	2.98839	2.95298	2.68061	2.34057	2.60456
USP53	1.09407	1.21348	0.983306	0.94813	1.14749
CDH4	0.0331991	0.0673198	0.0334209	0.027663	0.0822877
PIK3C2B	1.65681	1.87397	1.27746	1.34992	1.78864
NENF	132.496	164.096	131.609	109.369	142.076
TAF6	46.6643	45.0933	43.3979	40.8295	43.579
TAB3	2.13163	2.00884	1.84378	1.73173	2.01556
SLC25A41	1.74449	1.58296	1.03645	1.35642	1.70543
APLP1	17.3089	17.9455	13.0774	12.708	18.8251
IFI2L1	22.5978	24.0649	21.5769	20.4251	22.8735
PPIL2	9.02115	9.3816	7.74749	7.51858	9.03845
RHBDF1	25.7743	21.3679	16.2206	18.8312	20.4391
FOXH1	13.6049	13.7662	9.31806	11.6258	12.8538
NCK2	17.5447	17.9682	18.9948	14.591	16.7045
C7orf50	102.724	81.5939	100.425	82.4326	80.4968
TTC39C	25.6894	25.4384	24.495	19.5296	25.1961
SLC7A9	0.251998	0.194063	0.128933	0.0704059	0.294661
RGS3	10.8154	12.7204	7.84924	9.75159	11.4165
HSD17B14	27.9817	34.3997	23.9411	22.9832	27.3407
PRR24	24.2289	28.9679	20.2966	19.7747	24.4118
FLJ35946	0.27651	0.295667	0.520161	0.460112	0.256009
HRAS	43.4599	41.9016	45.072	39.0764	36.7807
MTX3	1.3214	1.5912	1.49795	1.13166	1.68563
CDK16	44.5988	49.0947	46.3701	39.1754	44.825
MAN2C1	13.9443	15.6835	10.9983	12.5583	13.1661
RABEP2	29.3507	22.228	22.3184	19.461	25.5362
TMED9	176.467	195.583	167.631	141.342	183.837
SESTD1	0.548662	0.442882	0.430418	0.4768	0.445744
DENND4C	3.064	2.77438	2.42049	2.22887	2.84084
ZNF331	0.395969	0.469841	0.412038	0.34444	0.459767
ZNF496	7.93627	6.90147	7.79091	6.75574	6.71841
SLC16A10	1.56292	1.24418	1.50066	1.38554	1.3632
UBE2O	13.1147	12.2226	7.82664	9.73078	11.166
PPIH	95.1246	83.9991	83.3781	76.7515	76.1269
ENTHD2	14.6343	14.136	14.7177	13.5407	11.9231
MAFF	52.4431	36.3827	43.3387	38.8867	36.0556
CCDC102A	5.88867	6.58395	5.32128	4.778	6.31518
NEB	0.00388661	0.00535602	0.00835918	0.00891159	0
PARP11	1.3277	1.24663	1.0719	0.912072	1.21207
XRN1	1.73411	1.61091	1.33506	1.3578	1.61991
RIMS3	0.781485	0.89738	0.838302	0.694978	0.819745
MSMP	1.69809	3.15068	2.01636	2.41063	2.12166
STARD10	29.1466	34.192	28.7988	22.3468	33.8162
ELF4	9.65282	8.82707	8.74459	8.34806	8.51314
NELFB	118.462	108.788	103.944	98.8574	100.716
LIPA	11.3014	13.7122	12.416	10.2627	12.728
NDUFB4	306.255	300.394	244.243	222.933	283.875
ACTB	2088.41	1935.51	1868.69	1663.54	1891.72
NCOR1	2.00514	1.70635	1.53095	1.53185	1.68796
SLC25A10	82.3828	75.0077	69.3198	68.1435	72.6638
RAB11FIP4	4.36281	4.70319	3.97577	3.53605	4.36469
RAPGEF2	1.53589	1.43109	1.77715	1.42489	1.31694
LOC285074	10.6248	13.9623	12.2368	10.2486	11.6957
MYPOP	14.6311	9.14449	13.0756	12.8291	8.92958
FA2H	3.037	2.8368	2.59194	2.62002	2.95332
CYP20A1	1.27322	1.22767	1.52805	1.14642	1.19693
LAMB2P1	0.598402	1.2633	0.650254	0.758478	1.08499
C17orf58	19.8072	20.8597	16.6289	14.7931	21.5685
ZFYVE19	22.9627	24.958	21.7751	19.3215	22.7276

SAMD9L	0.0677988	0.0908724	0.0618165	0.0540095	0.0898152
ZNF579	44.5479	28.4445	39.2979	37.3537	25.8386
ZNF451	4.34472	3.93685	4.03752	3.7001	3.67038
CBFA2T3	1.93926	2.18182	1.79225	2.05692	1.90389
RECQL4	35.4202	30.4833	28.5535	32.0345	29.6716
BTBD7	2.61228	2.63575	3.14646	2.15431	2.73939
H1FX-AS1	0.33545	0.560653	0.546208	0.589035	0.494652
ZBTB2	4.34668	5.78482	5.63463	4.28177	5.23522
ZNF680	2.27402	1.8084	1.33043	1.66525	1.82156
TNIP1	73.1558	81.0647	62.1665	55.4393	76.6281
HINFP	12.504	11.0704	11.7518	10.3317	9.79067
ATP13A3	7.93411	8.63766	7.82559	7.02715	7.59824
LEMD2	30.5675	24.2076	32.4667	26.4301	23.4411
AGO4	1.96347	2.09695	2.0243	1.78154	2.04504
COA3	53.8797	67.1755	51.715	42.5028	59.8359
SEPT7P2	1.23574	2.11853	1.57763	1.41328	1.71527
RUSC1-AS1	11.7016	11.6043	9.42151	11.6603	10.0388
FLJ42393	0.10127	0.0540657	0.0633008	0.105405	0.067366
KDM8	0.473937	0.703287	0.522869	0.574368	0.410003
AP1G2_JPH4	16.8456	17.2877	13.8403	15.2225	14.8346
UGCG	7.48433	8.48755	6.12017	6.16598	7.37441
BCRP3	0.432202	0.46429	0.173382	0.526712	0.178369
PATL1	16.4465	15.4602	14.0059	12.6534	15.0083
RFC5	13.595	14.8575	14.1506	12.3804	14.8315
DOK1	24.4603	22.3821	23.3431	21.9483	22.1487
PROX2	0.0216331	0	0	0	0.0194171
TRIOBP	9.55739	13.8639	10.0567	9.11974	11.5255
INF2	47.1185	37.9514	43.86	40.8445	36.1425
CMTM3	57.4701	73.8865	54.7179	47.3308	67.7567
ZDHC2	4.22068	4.32836	4.29655	3.51158	4.42952
SERTAD3	18.6985	17.3243	17.2368	15.8485	14.8776
SPTY2D1	2.64555	3.2227	2.59507	2.35488	2.79849
CRIP2	26.3125	43.7709	23.9522	19.6153	41.4557
NTMT1	156.977	151.393	134.455	121.992	145.845
DPY19L1P1	0.829645	0.566628	0.769933	0.676205	0.685861
DUSP16	3.16951	2.47434	3.07388	2.75012	2.24115
NOTCH2	5.25165	4.90513	4.04046	4.23949	4.28811
KIF3C	2.89536	2.78439	2.43527	2.21298	2.82748
HIST1H3F	0.72995	2.87469	2.07144	1.68895	0.884354
PLXND1	11.2115	9.24038	8.68153	9.08039	8.69759
COL6A1	24.5009	27.3795	16.9623	19.5396	25.7106
GGH	50.5256	47.616	48.3511	43.4252	45.6383
GNB2	489.893	446.571	467.498	407.176	430.761
EPB41L5	1.51265	1.78704	1.84106	1.31665	1.85582
CDKN3	36.8599	33.475	46.7347	32.1166	31.5633
SURF4	144.597	162.553	163.36	129.35	148.435
ICK	2.19513	1.92164	2.18624	1.76021	1.77513
CAPN3	2.72252	3.34472	1.80292	2.92859	2.5805
LOC100132354	0	0.0177644	0.0315755	0.0213423	0
ZNF827	0.212918	0.270965	0.234151	0.114153	0.360743
SIPA1	16.1552	16.7257	12.3523	13.6025	14.336
SUSD2	0.087428	0.115143	0.104021	0.104379	0.105299
PDE4B	1.23988	1.43742	1.12647	0.927882	1.50712
CHPF	50.7502	47.6537	51.4	44.6395	43.2064
MAN2A2	8.26456	9.20603	7.30175	6.97411	8.78311
METTL6	3.2772	3.78089	5.53588	3.86008	3.44888
CDR2	7.68461	8.83238	9.07219	7.19866	7.92084
C4orf52	31.0085	31.9193	33.9911	26.7777	27.3576
FAM122B	5.96926	6.40215	6.62916	6.407	5.43508
KCNAB2	46.0081	39.6175	37.3544	37.1688	39.3891
GTF2IRD1	24.292	23.3178	20.543	20.6014	21.1466
CRABP2	182.101	234.495	128.99	119.51	226.369
DHRS3	0.125192	0.653596	0.30432	0.314322	0.36363
ANO10	8.82104	8.07456	7.88407	6.70563	7.3668
ACTG2	0.0271225	0.147403	0.0331727	0.045365	0.100777
MAPK11	16.6939	17.016	13.9179	14.3554	15.875
RSF1	3.20555	2.25175	1.95044	2.39777	2.46167
ZNF341	2.38984	1.92895	1.53038	1.9433	1.74188
PDS5B	2.27285	1.92154	2.18278	1.84128	2.12715
ULK1	7.03703	8.59687	5.70069	5.49339	8.31018
CTSC	41.1572	47.3308	44.4315	35.4827	46.1118
BCRP2	3.16899	3.66156	2.97024	2.71667	3.05963
COMMD10	7.32203	6.91807	7.33576	5.41571	5.82894
COL6A4P2	0.00485244	0	0	0	0
CASKIN2	4.66018	4.8045	4.83466	4.7094	3.97884
SETD5	9.2746	7.59726	7.13876	7.18791	7.67758
EPHB6	0.0809664	0.0478657	0.226485	0.0898978	0.0881142
NTNC1	2.44788	1.97181	1.79792	2.08813	1.85083
QPCTL	19.3449	18.1709	18.8503	14.9628	18.7538

NOL3	25.4522	23.2592	18.69	19.7889	21.2403
LCAT_SLC12A4	27.0602	25.5953	24.4407	23.0951	24.0255
ATAD5	1.27504	0.786955	0.47787	0.970883	0.85947
PIK3R3	0.817217	1.11204	1.20622	0.86341	0.847335
PDE6G	0.0908903	0.0608457	0	0	0.0557516
MLEC	22.1546	27.3258	21.5129	18.7859	26.4107
CYB5R1	25.4697	30.3195	26.8948	21.826	29.2324
C4orf46	4.10378	4.17745	5.0716	3.67779	4.48792
RANGRF	72.7872	67.3461	69.5045	60.3017	60.7634
HN1	128.644	136.894	124.681	113.702	121.849
C9orf153	0.0295068	0.0571993	0.0622456	0.0650511	0.0686202
TMEM167B	7.70579	9.27711	7.8826	6.26355	9.08531
GPSM2	1.57649	1.66896	1.8486	1.62681	1.45077
LOC285540	0.043949	0	0	0	0
MYLIP	4.22151	7.09741	3.91809	3.95771	6.30713
BAHD1	11.9489	12.06	10.3306	10.2344	10.5856
ENHO	16.4888	19.2495	15.5114	14.0215	18.2946
PRX	1.58524	1.53485	1.57901	1.20912	1.76239
NUDCD2	46.816	37.4557	47.0886	38.2071	42.1739
MTFR1L	23.3393	28.9387	20.9197	18.3373	27.1284
MGC21881	0.703331	1.54169	1.27696	1.05975	0.840544
MT1M	237.703	254.538	174.55	209.317	210.273
CCDC94	17.7419	22.3146	17.0948	14.9715	21.4284
CHCHD6	77.1344	82.9389	64.2195	58.1231	80.1768
KHNYN	15.3958	14.4698	12.3194	12.3979	14.1143
COX5B	510.909	534.392	483.553	399.448	513.387
IRAK1BP1	1.37503	1.99773	1.44738	1.69431	1.36714
TESK1	26.4319	23.7302	26.9789	22.4242	23.3377
EPHX1	16.2486	23.1308	13.7236	14.9784	19.6928
LOH12CR1	4.69696	3.85528	5.0202	3.79928	4.28777
ZDHHC17	2.67499	2.90008	2.44317	2.18135	2.84945
FAM35DP	0.238937	0.252202	0.171183	0.152756	0.266727
ZNF699	0.14369	0.0439254	0.0257969	0.0170771	0.0829203
LIMD2	9.43419	8.77897	7.57243	8.19547	8.1457
ANAPC11	127.988	133.389	121.362	111.3	119.979
IDI1	21.6323	16.7631	18.5483	16.289	18.4756
ETS1	32.9311	25.4056	26.4154	24.6642	26.9464
CDK10	46.4899	42.4878	33.7013	38.4434	39.8474
ATP12A	0	0.0100795	0.0179226	0.0122223	0
SBF1	10.912	10.1363	9.11712	9.09935	9.31744
SNX21	12.705	12.0322	9.34646	9.60319	11.1368
ARL3	6.35952	6.70055	5.55153	5.03064	6.1831
DNM1	11.522	12.7812	9.04787	9.38917	12.7152
SEMA4G	5.60859	5.44075	3.52616	4.20628	5.60075
CAPZB	103.671	96.0927	95.6845	82.1964	98.9905
OSTC	67.7066	77.7723	75.0611	54.7395	76.3129
FLCN	19.6581	19.7267	15.4076	14.1804	20.0014
TMEM184C	3.27247	4.47731	4.46197	3.46576	4.00721
RFESD	1.91965	1.82271	1.34585	1.08299	1.76822
DNAJB1	66.2802	101.776	63.6514	63.2679	83.3509
ZNF775	10.3753	10.1969	8.88949	9.20778	8.03027
ZBTB17	16.8001	13.987	10.6562	12.355	12.1902
BCKDK	154.343	147.996	105.926	107.336	151.441
PPP1R12A	4.91264	3.79802	4.82485	3.86276	3.98599
ZNF169	0.865179	0.716865	0.787147	0.763189	0.725134
SNX16	3.93496	2.04594	3.79846	3.30041	2.24371
DNAJB2	46.1576	38.0425	33.1136	35.6005	33.9911
FAM134A	26.757	36.739	24.988	22.0975	33.5749
PSEN1	5.97448	6.47451	6.69939	5.33606	6.09329
RUSC2	13.3351	8.08951	10.8722	10.9952	8.0458
PROZ	0.1239	0.197257	0.302116	0.310932	0.104516
NUP210	18.3549	17.9211	13.2109	15.4404	16.7993
MRPL22	12.7976	13.2407	13.2377	10.0627	13.4299
FRMD6-AS1	0.283117	0.541776	0.220371	0.324336	0.353494
ZNF449	0.849768	0.669818	0.573503	0.823306	0.596529
PRR15L	0.0369759	0.0255118	0	0	0.0235141
GSTT1	50.9761	67.221	47.3976	41.9204	59.433
GPX4	384.988	474.699	391.083	336.776	417.199
YIPF1	9.98373	13.1389	11.0391	8.80838	11.3845
DESI2	14.0426	15.7295	17.9297	12.767	16.1723
PIK3CD	2.96457	2.97266	2.54371	2.62373	2.74944
STRN	1.08312	1.09498	0.957414	0.896953	1.01351
RBL1	0.625269	0.596281	0.588059	0.609746	0.57671
CHCHD7	20.6999	22.9496	20.3045	17.9211	21.3243
DLGAP4	29.67	26.0202	23.983	22.9299	24.4469
NEDD4	1.7029	1.69346	1.99964	1.60698	1.75288
TOR2A	44.6566	44.6693	41.9018	37.9033	43.4741
LINC00265	4.50068	3.45501	3.58891	3.72724	3.41848
ESYT2	7.67241	8.72162	7.73267	6.41541	8.68809

IL12A	1.62041	1.96758	1.1855	1.08573	2.02233
EML5	0.21353	0.19048	0.210656	0.228168	0.134556
ZNF628	5.82144	6.27303	3.9123	3.73596	6.27312
MAP7	5.8992	5.98449	5.66901	4.38516	6.89652
MAPKAPK5-AS1	9.71348	11.2528	9.52828	7.5453	10.6227
CUTA	336.079	323.241	312.527	264.569	304.457
MAN2A1	0.740237	0.626716	0.585077	0.587418	0.652736
GEMIN6	31.2915	29.7213	34.9019	27.2632	26.7657
CALML4	2.69787	2.17821	2.22749	2.24659	2.06852
ATHL1	42.4051	38.7015	19.1275	34.4297	38.9935
TPD52	36.4088	38.1218	28.3687	25.7426	40.1328
AASS	6.54096	5.99506	5.35078	5.34313	6.06512
WASH3P	14.101	14.9863	12.333	13.4716	11.4805
PER2	2.07113	2.05788	2.35448	1.9252	1.86911
ITPR2	0.439271	0.421648	0.366761	0.362977	0.39999
TIMM8A	9.12816	11.0104	9.00877	7.95164	9.02692
BIRC5	39.6915	42.2024	46.4226	37.5139	37.3505
C19orf21	0.521011	0.226961	0.506852	0.332259	0.289504
CLIP3	0.403248	0.52445	0.218941	0.328714	0.467034
EFNB1	9.16831	9.23574	8.58471	7.37125	8.90713
NDUFB2-AS1	1.00371	1.72893	1.2817	0.796985	1.8249
PRPF40B	0.99693	0.849678	1.07512	1.06912	0.945247
TMEM191A	1.04929	1.32363	0.648236	0.615915	1.35247
ENO2	292.922	312.07	176.448	174.036	336.415
C2orf27A	0.152267	0.528527	0.470179	0.296774	0.515144
THOC6	161.011	155.536	139.871	124.77	151.259
ZBTB5	2.72163	3.00987	2.46479	2.05571	2.96573
ZNF439	1.7675	1.38599	1.37098	1.23037	1.4217
CDKN1B	11.4242	8.24217	12.6211	10.5453	7.71505
LRP11	5.3226	5.01496	6.19796	4.96692	5.05352
OPTN	29.3668	32.4296	29.2225	24.2702	31.4037
MIS12	7.37732	10.7249	8.91927	7.07107	9.62329
RCAN3	3.5074	3.60491	3.10345	3.14219	3.66123
STAP2	19.474	20.4419	17.7428	14.7454	20.3971
IRF4	0.043672	0.0349371	0.0913222	0.0161977	0.0591632
PLEKHO1	23.2378	26.8465	24.437	20.5588	23.9827
SHD	0.523018	0.469794	0.425019	0.315591	0.706894
C3orf18	7.33271	7.03745	6.036	5.60909	7.23091
GLUD1P7	0.0402388	0.0432928	0.0295554	0.0480854	0.0330733
C10orf137	2.56597	1.22487	2.61091	2.16586	1.74985
PPFIBP2	2.25598	1.91995	1.83021	1.74137	1.85153
PLCL2	1.46475	1.41065	1.14097	1.18703	1.45648
GMDS	22.2298	19.7209	20.4603	18.937	19.3375
TAPBPL	1.67708	2.29367	1.30149	1.86197	1.29024
ST6GALNAC2	0.153507	0.191252	0.150236	0.153059	0.158385
CACHD1	1.25638	0.979162	1.30867	1.15885	0.979217
PICK1	16.9479	16.9948	17.7887	14.1086	16.2564
MST1R	6.58644	5.82557	4.70129	5.58589	5.89056
FAM117A	11.6562	12.7188	11.1182	9.04609	12.4377
IMPAD1	11.3736	11.5839	9.84383	8.47133	11.4064
OTUD7B	2.75297	2.81251	2.11644	2.06343	2.71399
CDS2	4.64802	4.87359	5.00673	3.86827	5.02741
NFRKB	5.64607	5.85607	5.45086	4.89672	5.29546
IGF2R	5.46414	4.39523	5.62088	5.21774	4.34388
HTRA4	0.0128637	0.0365241	0	0.0216512	0
ANKRD20A9P	0.0805311	0.0934326	0.0821516	0.0844075	0.0815937
SAMD12	1.82165	2.04133	1.66872	1.51202	1.89617
ZNF703	5.58041	4.77984	6.09757	4.63758	4.26066
SPCS2	28.4775	29.1294	26.3913	23.619	27.9894
B4GALT4	5.83376	5.26089	5.76842	5.35012	5.03746
TRPS1	0.65108	0.503368	0.477775	0.474082	0.470244
MAB21L3	0.17533	0.128533	0.104237	0.140037	0.0793892
YPEL1	3.42712	3.76058	2.97031	3.20986	3.07993
MIR4763,MIRLET7A3,MIRLET7B	0.261242	1.17942	0.528786	0.347588	1.04224
FBXL22	0.083476	0.114778	0.169647	0.0930069	0.141283
TRAF4	21.8814	22.441	19.09	18.3085	20.3403
ZNF283	1.9596	1.79932	2.2866	1.69838	2.17916
PLSCR3,TMEM256	276.351	313.123	263.066	221.086	284.719
EXT2	20.4599	22.6663	20.7156	18.8449	20.7552
KRTAP5-1	0.188608	0.128241	0.290296	0.322487	0.0589055
HHLA3	35.8353	32.5761	33.3711	29.2809	31.2998
SH3BP4	4.40932	4.178	3.41517	3.49003	4.16716
SIGLEC11	0.0218452	0	0.0396385	0.0362707	0
LINGO3	0	0.0523003	0	0	0.0474211
SGCB	3.28119	4.29945	3.17712	2.86066	3.93285
RNPEPL1	52.5517	51.1572	49.1175	44.3879	49.6272
ZSCAN16	4.12047	4.73987	6.36885	5.27462	3.5636
AP1S2	12.0948	13.2401	15.6113	10.8732	13.5642
TUBGCP3	4.39218	3.02302	4.10081	3.89938	3.01732

DPY30	62.2057	62.0205	56.1962	50.7885	58.7165
PKP2	3.68903	2.96029	3.48195	3.07987	3.34298
HY1	19.3952	30.6764	20.2794	18.4292	24.958
C1orf145	0.491266	0.918664	0.509557	0.443302	0.73158
SCYL2	5.20088	5.00914	5.0345	4.13093	4.99177
FAM21A,FAM21B	2.05314	1.90102	1.78908	1.53624	1.89877
RAB11B	111.711	93.9767	91.4899	86.9392	97.7887
ZFHX4	0.0133327	0.0142978	0	0.00278273	0.01331
TMEM217	0.120297	0.150105	0.255356	0.146976	0.0627516
KDM5C	25.2714	23.2935	19.905	18.4867	25.4796
ZFAND2A	12.8498	20.1516	19.5239	12.2991	16.271
LMBRD1	9.07586	9.04977	8.82534	7.80728	8.84705
SUGP2	9.35952	7.76182	7.96553	7.77474	7.94052
ABHD13	1.39558	1.83156	1.73711	1.37832	1.63532
GLTSCR1	3.13212	2.95239	2.30394	3.00246	2.37022
CTDSP2	21.8834	26.2235	24.3	19.849	24.5674
MZF1	15.7371	11.9044	12.4215	12.2064	12.5194
MON2	1.56131	1.14706	1.25177	1.37536	1.07007
GNA13	6.84398	6.19484	6.42086	5.66187	6.36816
SNORA74B	0.487995	3.32434	0.586245	0.801839	3.18462
TAB2	9.77153	8.14499	9.34671	7.24459	9.10777
SP6	2.57088	2.95023	2.41863	2.18704	2.77852
DENND5B	0.548129	0.682526	0.505251	0.438874	0.680544
LOC100130899	5.10864	6.17314	5.60434	4.9589	5.17151
TMEM79	3.96471	2.84152	4.97959	3.89729	3.01618
PI4KA	15.5415	14.5885	12.4163	13.7475	12.3383
STC1	0.0242938	0.0441677	0.0307106	0.010167	0.0578379
ABCA2	27.4244	30.7383	17.459	20.8374	30.9515
STK38	5.48967	4.69753	6.28173	5.155	4.48108
GSG2	3.97937	3.36993	3.63256	2.93668	3.29679
ALCAM	5.90963	7.28589	6.39895	4.82333	7.32489
TCF20	4.87725	4.1064	4.86927	4.3942	3.82854
CCNK	18.3766	19.7384	17.5508	16.3191	18.4586
ZSCAN31	1.09345	1.03663	1.24942	1.03962	0.920051
PPIE	39.126	43.7036	45.2381	33.0193	39.6845
LOC100507424	0.80784	0.595113	0.634132	0.425675	0.604338
SHROOM2	0.672662	0.471164	0.57956	0.523444	0.547883
ACYP1	18.2352	13.0161	15.3367	16.1372	11.6624
ITGB5	22.8957	28.4989	25.2472	19.3651	27.8179
C1orf63	14.5662	9.96853	13.5911	13.0201	8.2379
PHTF2	3.11627	2.44091	2.88862	2.67917	2.62118
ZNF639	9.59952	10.5648	9.45022	7.39165	10.5855
KDM2B	10.6947	10.1997	8.28785	8.60758	10.0083
MPST	157.641	153.07	170.557	134.969	137.719
ALKBH4	12.095	14.143	10.81	11.1863	12.297
ATF2	4.9359	4.30943	4.91416	4.45948	4.15081
CENPN	18.5447	18.7438	20.9634	18.3847	15.7112
SLC25A26	17.5035	24.5847	18.388	13.9776	22.5832
AFF4	3.74368	3.76222	3.08286	2.94729	3.63462
KLRG1	0.14075	0.150267	0.162494	0.149932	0.0532936
KLHL7	13.8131	14.264	10.2033	10.3345	13.892
KLF15	4.91952	3.94375	6.34909	4.32809	4.58571
TMA7	424.723	487.692	458.361	361.204	431.228
PITX1	30.5807	28.8545	35.571	28.329	28.984
LOC374443	0.820254	1.05839	1.3326	0.893775	1.16927
FAM76B	1.91982	2.05262	1.93538	1.78519	2.0217
GSTM3	16.2119	18.3969	15.9312	12.9021	18.7265
DAAM1	0.628768	0.611744	0.464321	0.508416	0.555083
OAZ2	33.3547	42.2564	35.7043	28.5601	39.2931
MAN1B1	45.6129	45.2105	42.3106	39.296	43.1849
LOC440300	0.237999	0.169722	0.177019	0.21482	0.223024
USP1	10.0248	11.5426	11.7707	9.93036	10.8957
SRSF9	327.755	329.986	274.466	258.71	319.383
DET1	3.60482	1.89907	4.19028	2.97392	2.21864
MAP4K3	3.60976	2.93201	3.09001	2.77068	3.17958
ANXA6	50.3728	57.2029	48.0037	40.327	57.1745
TSHZ1	1.71954	1.76562	1.6235	1.82813	1.43747
ABCF1	14.4587	14.5914	13.6796	12.035	13.8252
PTPRCAP	2.82731	1.497	1.59595	1.07609	2.19027
KIAA0895L	6.96604	6.61847	4.71333	5.39467	6.77428
TMEM126A	30.575	34.2893	27.5734	27.0368	28.2024
GINM1	15.752	14.5407	15.3693	12.1819	16.074
EPN1	107.586	99.9732	99.6294	91.7559	94.0365
USP19	9.07374	9.78349	9.1123	8.00988	10.0185
HYDIN2	0.0044113	0.00256075	0.0055922	0.00736787	0.00241823
TMLHE	7.1182	8.29667	6.31746	5.17544	7.51229
KCTD1	3.31611	2.65858	3.32136	3.49394	2.32733
PLD3	53.9774	55.2087	52.1946	45.9908	51.492
SNORA24	30.9755	10.422	27.5278	6.22297	21.6231

TXNRD2	26.8757	19.8716	25.929	22.7144	21.33
MLL	1.29733	1.09376	0.974609	1.08155	1.04689
COMMD1	27.1494	24.5883	24.4039	27.2316	20.5066
SPSB3	47.93	46.4607	45.5066	44.7893	42.8487
SPATS2	10.5282	10.291	8.93253	7.44091	10.289
LYST	0.394239	0.256089	0.279198	0.263887	0.319566
C12orf75	21.594	28.3983	25.6189	20.831	26.3891
CHMP7	20.0784	22.2324	16.4779	15.4906	22.1847
ERLIN1	13.2733	15.5711	17.6543	14.3207	14.048
C7orf60	4.20222	4.03061	3.20385	3.11946	4.08257
NFATC3	4.45415	4.21898	4.2427	3.78786	4.0039
FAM212B	0.804223	1.40432	0.959499	0.752631	1.26622
UFSP2	12.8607	10.7296	10.2973	9.91335	10.5108
FARP1	15.125	14.7521	14.0906	13.2128	14.4745
C11orf83	16.6171	21.1679	15.4585	15.3299	17.5542
TRIM3	4.11286	4.09621	3.90605	3.75838	3.82578
EPS8	3.04673	2.49366	2.40317	2.55066	2.88475
TOR3A	14.8746	22.1766	15.6143	15.7761	17.7954
ATG9A	27.3659	28.3139	22.4662	23.2286	25.808
LMO2	2.64804	2.70477	2.43447	2.32332	2.84761
THAP11	23.8694	28.33	26.2323	22.5177	24.2974
NOTCH2NL	6.52324	6.96118	5.63922	5.34111	6.5226
RNF26	23.1028	28.3059	23.4731	22.3489	24.1856
MMP15	7.55123	7.68585	6.73503	6.37953	6.95398
CREBBP	3.89503	3.38827	3.43756	3.15341	3.32264
SIDT2	3.68402	4.7539	3.30555	3.0083	4.74154
HESX1	0.574952	0.379322	0.605844	0.582277	0.3629
XRRA1	14.0496	10.603	10.1752	10.413	10.4014
CTTNBP2	0.782811	0.579129	0.642822	0.555829	0.764841
NDUFA3	235.942	205.195	188.331	194.559	180.936
CEPT1	11.4545	12.3693	11.4034	9.31721	12.0302
LOC100294145	1.8	2.83243	2.35852	1.85351	2.40598
CENPE	0.817662	0.832165	0.248208	0.762732	0.725241
PIGL	7.07395	5.85778	5.29594	5.62057	6.66914
CST3	236.873	274.816	197.443	198.817	241.808
LOC144486	0.160767	0.185468	0.194112	0.194866	0.150836
CXorf23	0.655662	0.530711	0.531908	0.639218	0.522869
ST3GAL5	2.45739	2.23847	1.55764	1.64164	2.75442
CHEK2	14.4973	15.0469	11.4003	12.2262	13.5913
WDR38	0.0625555	0	0.0365932	0.0522232	0.0377343
ZNF692	27.7963	22.4414	20.1294	22.3459	20.9388
HIID2A	264.502	279.49	248.047	225.775	246.056
ZNF670,ZNF695	5.32982	5.47652	4.63068	4.43417	4.85124
C19orf53	141.416	165.096	139.455	122.746	151.604
OAS3	2.3594	2.02439	1.70582	2.26942	1.92646
HARS2	9.5307	10.4526	9.37835	8.11851	9.71725
GLA	19.1937	22.5048	18.6983	17.458	20.5486
MAN1C1	0.141067	0.0601991	0.146021	0.144458	0.0562881
PLEKHJ1	101.89	104.5	116.396	96.5411	86.9528
TOM1	19.2876	20.8134	16.0875	16.1252	17.9285
RASL10B	10.018	10.3028	11.7682	8.89158	10.0332
FRG1B	7.54002	9.08524	7.66573	5.40067	9.8677
HPS1	34.3383	36.2675	32.9764	29.148	33.3144
PDZD11	19.6674	20.9542	21.0112	18.5844	19.9831
CD59	15.2559	19.2716	15.1677	12.2533	18.7609
BANF1	261.531	251.878	249.148	222.28	236.476
TMEM39B	18.5187	19.2268	15.6824	12.7232	18.8285
PAXIP1	6.25468	5.55751	6.00537	5.40453	5.56627
FUK	5.0154	4.65951	4.51212	4.40103	4.48642
MIPEPP3	0.226153	0.917102	0.120963	0.286622	0.429258
PAM	11.0884	13.4847	10.8441	9.29446	12.917
PCDHB16	1.15598	1.39729	0.868945	1.04818	1.04908
KIF11	9.92711	8.28756	9.16475	9.37094	7.61842
SERPINH1	117.642	108.839	109.774	104.35	94.4264
PAOX	5.85966	7.10288	6.39131	5.18992	6.49583
RAD9A	4.99964	7.95378	4.66004	4.8906	7.27037
GSN	38.4547	32.8535	33.3448	29.7257	33.8395
RNF208	65.4209	58.238	53.7382	52.6253	60.9604
LRRC14B	0	0.0472756	0	0	0.0431313
ZNF792	1.27307	1.64811	0.867836	1.03171	1.46996
FBXL20	2.39084	2.65549	2.30486	1.88686	2.61294
DNAJC1	7.4189	8.59875	7.12325	7.50441	7.29361
MRPS9	36.2152	30.1613	33.3885	28.3434	33.3193
PKP3	47.1509	49.1599	41.7628	39.1727	47.4585
CIC	11.4544	12.3519	8.59225	9.23332	11.6222
NDUFA2	114.203	148.496	102.113	97.1011	133.893
ECH1	135.562	151.063	121.92	116.489	135.494
PRPSAP1	25.6917	30.067	22.9688	20.5984	28.436
ZFYVE1	8.09479	8.81195	6.41394	6.71012	8.24069

COX6C	385.11	387.081	338.93	317.641	361.619
ACOT13	7.75128	6.85614	7.88435	6.46014	6.99854
MCU	7.42578	6.52145	7.03112	5.87344	6.98893
GCA	2.76792	2.59002	2.48769	2.20493	2.79643
RNF121	7.70831	9.42385	10.1481	7.28737	8.62404
ZCCHC6	3.50913	3.06071	2.56426	2.65323	2.8062
C1orf151-NBL1,MINOS1,NBL1	104.672	115.431	96.1787	86.5876	109.8
PLXNB2	24.7391	30.4245	18.8289	20.7643	28.4974
SYNGR2	88.532	108.146	102.262	84.6602	92.4067
VPS11	11.1319	14.3327	11.1657	10.4722	13.2853
SH3BGR3	326.399	330.256	258.608	254.874	331.547
DICER1-AS1	3.59848	3.35121	3.51012	3.54604	2.19537
PALM3	16.0578	18.6793	10.2068	12.5815	17.3587
MBP	3.49439	3.52126	3.66969	3.09296	2.97887
CASKIN1	13.2749	12.6327	11.861	11.4741	11.2033
NSMCE2	24.2499	23.4975	25.5223	20.344	23.3574
FOXJ3	9.57811	8.76172	9.04069	7.49799	9.19954
DOLPP1	16.3735	16.3533	20.6831	16.1978	16.415
QSOX1	61.6313	53.145	49.1024	46.4931	54.2479
GULP1	2.38706	2.7214	2.24816	2.23428	2.70401
RERE	4.07416	4.92672	3.40732	3.53878	4.7611
DTNBP1	23.5302	20.6238	24.4549	21.3376	19.1469
ARHGAP26	0.416958	0.466636	0.416083	0.391166	0.349586
KAT8	27.5094	24.6677	18.9454	20.9704	24.7881
LATS1	2.31878	2.74617	1.83586	1.87952	2.5658
SMIM4	64.9129	73.5996	71.068	57.7619	64.1798
PCDHB2	2.6457	3.05581	2.24812	2.16395	3.33159
SCRN3	1.68965	1.65034	1.88964	1.89621	1.14152
STXBP2	65.2843	66.1391	61.8931	56.1836	59.9753
BBIP1	7.37929	8.47684	9.96952	7.74545	7.38431
PACS2	10.3129	10.0287	10.7539	8.64712	10.1881
ECI2	36.0702	40.2997	28.1499	27.9942	40.8505
ANKRD39	21.0037	25.6607	16.5029	17.1889	21.984
NFE2L1	21.9157	22.6062	23.6837	21.7305	19.5992
C17orf100	0.275278	0.472322	0.566952	0.494578	0.386319
HHLA2	0.0164453	0.0358172	0.0103543	0.027396	0
CLCC1	6.78878	5.76388	5.9285	5.87126	5.38823
TM9SF4	16.2796	18.04	13.2482	12.7959	17.6269
ACTR1A	30.5519	30.5228	34.6114	28.0162	29.0505
PPM1J	24.1475	26.3212	20.1374	18.9031	25.5967
RPL23AP7	7.2397	10.223	7.86663	6.12035	9.54182
OCLN	5.1284	4.70387	5.71278	4.75036	4.33362
GOLGA8A	22.0677	22.3275	11.9011	17.3827	22.4018
CYGB	0.222775	0.108317	0.341239	0.135264	0.300529
C2orf49	13.7062	7.7857	9.55006	10.9378	8.09848
SDHAP3	4.72986	3.86013	4.04868	4.73869	3.60337
DNAJB7	0.169375	0.309216	0.176177	0.153652	0.208572
PRDM8	20.8077	22.878	24.2105	20.6244	22.8712
C10orf11	12.7779	15.4106	14.3593	11.0192	13.3994
TMEM160	65.7025	62.1478	67.0044	67.8005	53.1214
ORMDL2	20.7818	26.7497	22.9495	20.0417	23.4439
DIP2B	3.45174	3.5291	2.96293	3.05325	3.20285
EXOC6B	0.563567	0.305533	0.391412	0.452295	0.388243
LIMK2	10.3024	9.5666	9.15721	9.05151	9.11548
NTRK1	0	0.0853525	0.0386757	0.0271444	0.0579462
CHIC1	1.09094	1.11178	0.989787	0.898772	1.16399
SWSAP1	1.5632	3.43428	2.63619	2.05058	2.77486
PPP2R5D	23.4852	24.2081	20.3056	20.217	22.9782
UBE2H	12.5625	12.7912	10.9664	9.91034	12.9549
MROH8	0.0145658	0.133644	0.0560028	0.0965086	0.0378055
ASTN2	3.24961	3.76918	2.85765	2.69163	3.41598
LSM3	115.29	114.888	95.8471	97.4785	101.626
YIPF2	30.9769	31.3385	34.3391	28.9918	27.5691
OGG1	14.844	15.9193	15.2083	14.586	12.7309
PCNA-AS1	43.7816	53.5212	49.7604	37.3713	61.0185
SEPW1	198.368	219.994	176.387	157.835	211.386
RPP21,TRIM39,TRIM39-RPP21	167.144	166.016	171.726	143.083	159.708
TMEM8A	34.9466	31.4691	35.2071	31.0187	29.7823
FDFT1	74.8703	56.3124	62.3903	60.1077	60.9369
CHST14	20.1238	23.9305	23.6778	18.3804	22.5556
SZRD1	42.1765	51.8578	37.5781	34.0348	50.1048
OGFOD2	7.57807	9.60137	8.42343	7.36636	8.5954
ELK1	30.5706	31.5782	29.1776	27.4592	29.5945
GNRH1	0.947734	0.703819	0.694802	0.598254	0.740004
CLN3	26.0349	27.2116	24.7559	24.1036	23.7397
CECR5	124.15	113.997	111.974	98.3661	113.735
PKM	1256.34	1621.22	1164.24	987.869	1523.09
RBMS1	0.173438	0.101709	0.141423	0.123619	0.0952041
C1QL3	0.110078	0.242361	0.523545	0.131168	0.39225

TBC1D4	5.72059	4.76676	5.41828	4.45568	5.75689
PPP2R5A	10.8342	11.4539	11.7694	9.37718	11.6171
FAM122A	2.41019	2.89663	3.31929	2.31958	2.85289
IL17RB	3.22405	3.52835	2.5389	2.89559	3.31243
RTEL1,TNFRSF6B	8.07551	6.88013	7.18081	7.71804	6.62111
PCNA	74.5477	94.0943	73.5773	67.8301	92.6982
HID1	19.1587	20.8558	18.3355	17.0078	20.478
LRRC42	30.8087	29.3163	27.9195	24.583	28.5818
UXT	122.338	147.767	124.921	102.575	133.1
MEA1	141.278	161.27	122.353	112.123	153.329
C20orf111	33.9121	28.129	29.8318	26.3155	25.6493
VPS54	3.15046	2.93108	3.44529	2.64687	3.02359
WDHD1	2.92016	2.53522	2.33373	2.719	2.51738
PTCH1	2.35336	1.81573	1.50615	1.87512	1.75483
OTUD1	4.36301	4.43851	3.90272	3.79617	4.17587
PRKCQ	1.61737	1.04873	1.70157	1.40986	1.15946
RELL1	5.95125	7.24649	5.46363	5.67469	6.53828
BRWD3	0.683391	0.63711	0.578261	0.548637	0.614481
RALY	44.1225	45.2914	48.0608	41.4172	41.2235
SH3GL1	71.1534	67.8295	69.2946	58.9773	66.5803
SAYSD1	3.36976	5.18046	3.60558	2.69592	4.49501
ESRP2	13.0974	11.157	11.3347	11.1175	11.2089
TNFRSF11A	0.985476	0.874152	0.875028	0.853827	0.93972
LMTK2	3.546	3.89309	3.58878	3.50698	3.12455
TPGS2	35.3677	41.8158	37.3723	32.8768	38.9855
LGMN	27.9199	29.8867	28.6069	25.7569	26.8536
LMAN2	119.068	117.77	115.368	107.835	107.292
SETD2	3.09784	2.54562	2.81697	2.66955	2.45709
GNG13	0	0.0572693	0	0	0.0524601
DEF8	45.1623	49.9379	38.307	37.2978	44.0897
BUD13	14.3006	12.5711	13.2292	13.5438	11.4204
ASXL1	13.1821	13.7873	11.0743	10.3622	13.2731
RAB40A	0.553473	0.457313	0.701189	0.801472	0.209758
FAM210A	8.25867	8.10912	6.25775	6.42914	8.0521
AES	203.412	211.37	203.488	172.914	198.073
CENPW	77.5153	65.4919	67.4902	75.7593	52.6289
P4HB	437.908	442.758	382.838	338.545	429.544
MAD2L2	139.333	136.789	123.287	120.597	123.242
FAM81A	0.606535	0.663906	0.719805	0.682849	0.528784
TNNT1	154.697	188.6	141.767	123.775	166.129
TRIB2	1.10268	1.37861	0.819761	1.24625	1.16666
CD101	0.43613	0.253499	0.545924	0.399641	0.437015
CHEK1	11.8035	11.9781	11.6099	10.9047	10.8777
LPCAT2	1.90608	2.12176	1.9586	1.75022	2.01479
MANSC1	3.65862	3.99302	3.60319	3.55109	3.70533
SYNPO2	0.00526983	0	0.00665045	0	0.0109161
CUL7	6.44571	7.68404	5.79589	5.97228	6.56014
B2M	750.086	883.294	765.668	628.679	827.088
FBXO7	68.8429	71.3481	68.5132	60.7461	65.0752
POLR2L	171.873	204.301	152.509	142.35	174.75
SRGAP2,SRGAP2C,SRGAP2D	5.72138	4.25311	5.40323	5.30743	4.09557
MAP3K10	10.7867	9.14517	10.2292	9.77951	9.39326
TBC1D9B	32.827	33.8871	26.3144	24.0945	35.199
PTPRF	24.8123	29.5127	21.4146	19.7444	29.1506
KLK6	0	0.0292216	0	0	0.0267871
CDK3,TEN1	34.7055	43.5126	37.6535	32.6194	38.1807
ST3GAL1	7.35427	5.15273	5.84553	6.44921	4.74702
EIF4A2	171.028	189.606	129.296	133.726	179.48
IER5	15.4212	31.4724	16.6623	14.249	27.8919
LMO7	2.91281	2.76178	2.80119	2.51332	2.94947
NT5C	145.97	120.712	146.008	120.042	116.345
AKR7A3	13.0646	12.7664	10.007	10.5613	11.5353
MTCH1	32.0233	32.2711	29.518	28.2556	28.3051
CORIN	0.181397	0.160928	0.150986	0.148459	0.167623
MVB12B	6.79395	5.72421	7.27302	6.44081	5.3909
XPO7	16.2216	15.1888	15.1544	13.6634	15.4896
CAT	7.62733	9.47386	6.05275	5.82906	9.97102
SYNU1	0.749511	0.706244	0.638331	0.658626	0.62546
NDUFB2	368.427	408.198	325.513	321.778	350.138
CCNT2	2.76612	3.00554	2.77104	2.6889	2.55392
TSC22D4	54.1641	46.2458	43.3013	46.1741	44.5154
NDUFA8	145.927	142.903	152.033	125.445	138.04
FLJ38576	0.0804456	0.0491488	0.100604	0.077	0.0308519
C12orf23	11.8549	12.7659	10.4022	8.39659	13.345
LY6E	477.133	480.021	418.035	390.646	449.673
FCGRT	42.0914	46.8224	37.1673	32.974	47.8691
TGFBR3	0.529868	0.462967	0.330097	0.406111	0.437099
RNF181	176.311	198.957	163.813	143.722	182.866
BHLHE40	77.1434	27.5013	39.4524	54.1314	23.657

POM121C	12.0538	13.2179	9.80057	10.3817	11.9468
ZC3H10	3.71469	3.56848	3.18049	3.13185	2.87406
C18orf8	11.1214	8.42696	11.0437	9.69253	8.00994
ZNF367	3.03635	4.63094	3.04934	2.82841	4.56398
LOC375295	17.7573	20.8726	24.1723	16.3801	21.0426
VPS8	3.57909	3.85451	3.6795	3.13347	3.81436
XYLT2	18.2612	19.0392	14.4577	15.4431	17.7905
TSSC4	39.4802	40.56	40.6924	37.8876	33.7423
HSPA7	0	0.0192786	0	0	0.0176879
PTK7	32.6257	31.971	27.8551	27.7767	31.742
IGF1R	2.44922	2.61918	2.11684	2.23608	2.23954
TNFRSF1A	27.8639	31.202	32.3782	26.7392	28.5533
SUSD1	5.66052	5.36062	5.53573	4.72823	5.13398
STX17	3.37418	2.8359	3.19928	2.76567	3.08873
EDEM2	10.409	11.0166	10.4564	9.35552	9.63541
PREB	46.7432	44.5179	44.2913	40.1292	43.8781
TPST2	16.4375	14.7764	16.0481	13.1685	14.6973
NTAN1	24.8001	29.7863	22.0522	19.9584	28.4964
USP32	4.74376	3.89982	3.59036	3.60564	4.39481
STT3B	8.41305	8.08216	8.63218	5.96965	10.0905
EEPD1	2.59312	1.82799	1.51041	1.71716	2.27013
SH3BP1	24.2968	26.7613	20.2997	21.1418	25.7068
OTUD3	1.5321	2.09085	1.43708	1.3409	2.11455
MCOLN1	8.58192	12.4451	9.45403	8.81125	10.1614
OTUB2	1.10081	1.5275	0.856602	1.04024	1.20444
WDR76	6.00112	5.59409	6.43465	6.15956	5.6981
SLC39A1	114.779	110.955	120.305	98.7889	104.93
SH2B2	21.4921	14.6167	16.7341	16.273	15.5813
ZNF137P	0.317364	0.304466	0.368337	0.438426	0.23851
ANKRD35	0	0.0123531	0	0	0.0113388
NF2	9.00814	9.28013	8.31923	8.70324	7.45224
SRRD	16.717	17.1586	15.3729	12.5477	16.5939
EXO1	6.20696	4.98613	5.79655	5.71375	5.51142
LOC642236	0.226495	0.286744	0.253284	0.23614	0.248069
ZNF184	2.43998	1.8848	2.13232	1.85372	1.81125
BAZ2A	11.6766	11.3042	9.64476	9.96118	10.5669
LIN7B	3.75199	4.01442	1.98579	3.23777	2.46735
CUL4B	7.63137	8.13479	6.93934	5.96228	8.16076
CITED4	78.9245	111.349	96.8007	77.7199	98.2487
WDR1	135.703	125.162	148.475	116.711	123.814
HCFC2	0.994545	0.773372	0.700998	0.798569	0.763451
SPNS1	27.414	26.3304	30.4965	28.0824	20.4352
PIGO	13.346	9.74019	10.3882	11.0686	10.3919
HELLS	4.1684	3.60121	3.81736	3.7044	3.97279
MIR7-3HG	0	0.0674321	0	0	0.0619234
TOX2	12.4754	14.8809	9.21126	9.6824	13.5746
SNHG11	8.57163	13.8953	14.6121	8.90802	12.2582
FAF1	30.291	28.5417	28.3663	25.3688	27.296
IER5L	27.9717	31.9086	25.8466	24.2159	28.2097
PMEL	0.928248	0.811858	0.958511	0.634488	0.927834
MFS10	202.576	165.016	181.416	163.828	172.313
VGLL4	10.3761	9.86314	10.1469	9.40486	9.09542
GSK3B	5.29844	5.93529	5.01009	4.22476	6.04479
XBP1	38.7409	43.9493	96.2491	51.3287	37.569
TBC1D1	18.3913	18.6016	15.5424	15.0261	18.6946
MLL5	6.15874	6.32243	4.36245	4.8698	6.37988
CLMN	1.36309	1.37368	1.20891	0.989296	1.57539
AAMDC	22.6863	28.8717	26.1303	23.2802	22.6032
KCMF1	11.7289	9.40975	11.4363	9.06149	9.65593
KLB	0.0384541	0.0335971	0.0484932	0.0321149	0.0369786
HELZ	2.48106	2.1552	1.67783	1.65881	2.37934
RTTN	1.14841	0.711692	0.982826	0.884893	0.864145
WSB1	55.5422	52.759	32.5603	39.2442	57.1012
PEX13	3.77129	4.11513	3.27989	2.89223	4.2174
COMMD4	147.124	135.985	121.484	137.027	114.374
ADD1	23.0307	23.3965	19.5703	19.5834	22.9944
NUDT16L1	28.0458	32.9944	30.1816	23.4093	33.7649
FAM108A1	107.966	95.788	117.787	94.3429	94.5833
PITPNM2	3.10868	2.94865	2.56945	2.72097	2.67083
DCP2	2.37979	1.65736	2.3429	2.07625	1.53055
FAM96B	185.346	165.642	179.804	160.874	154.115
SLC39A7	48.0691	44.3729	45.7708	40.3257	44.5147
LRRC8C	3.65339	4.50538	3.79113	3.48157	4.10157
ZSCAN9	9.55098	5.59823	7.6128	7.42813	5.37959
LOC100508120	0.554459	0.600581	0.696535	0.675045	0.449327
LIMCH1	1.96469	2.19969	1.56933	1.75131	1.98876
INPL1	18.9028	17.7785	17.6513	16.3657	17.5971
GUCD1	20.2463	26.0413	21.5463	18.7375	23.5022
AHDC1	1.66906	1.62896	1.49619	1.38143	1.6896

LRIG1	2.4705	2.26953	3.03154	2.66358	1.8965
HAUS7	19.7155	17.979	21.5164	19.0987	16.2305
LOC728323	0.425286	0.308992	0.299652	0.265877	0.397446
FAM172BP	0.138672	0.357347	0.268574	0.212653	0.335797
ZMYM2	2.64788	2.40273	1.70755	1.83936	2.6255
ILVBL	42.5322	44.9214	37.7185	31.6699	43.6602
RC3H1	1.42631	1.57318	1.23879	1.30572	1.42216
EMD	141.133	134.787	126.581	121.31	122.011
SCN1B	6.18721	6.06398	3.36598	5.57914	4.92062
MVK	19.4518	12.2654	15.8904	16.7203	12.257
RPL13AP20	2.87543	2.49906	2.23667	2.12292	2.0432
ROBO1	1.1197	1.13682	1.02366	0.884713	1.3935
AGAP3	49.6057	38.6973	40.7768	40.3803	39.2594
PTPN3	7.41849	5.84079	5.83905	5.94434	6.40536
SNRPA1	55.6858	42.9438	51.6555	49.9213	42.3168
SNAPC2	55.8426	59.9266	58.1428	49.6388	56.0058
PHF2	4.84703	4.89887	4.66707	4.53273	4.17576
HSF1	141.866	130.466	137.32	124.595	124.097
TPRN	46.836	43.7213	54.265	40.2579	43.4133
CDK18	10.6958	9.50755	8.16393	8.19317	9.17918
JMJD7,JMJD7-PLA2G4B,PLA2G4	18.2628	22.6471	17.9147	15.8079	21.5676
TMEM86B	2.41137	2.01501	2.09952	2.27369	2.31664
LUC7L	28.2151	25.3647	23.3642	23.5692	26.8821
IFNGR1	7.49053	7.72937	7.43514	5.9899	8.06274
NUF2	15.4893	10.7872	13.4361	13.3799	11.5978
IRX5	0.480744	0.49777	0.41068	0.31365	0.55634
RELA	65.0853	66.3024	57.2893	53.0855	65.5032
LINC00116	13.5322	14.8724	13.8576	12.1926	13.6087
ZNF805	1.01628	1.46806	1.06563	0.848283	1.36896
PRDM12	0.723399	1.8918	1.51872	0.840362	1.80356
SHFM1	469.862	409.765	418.567	390.143	394.548
CAMSAP2	2.6412	2.43791	2.31793	2.26423	2.18028
PIAS3	7.38853	8.29185	6.30319	6.1787	8.19631
YIF1A	70.593	71.9081	75.0398	64.1297	68.812
BUB1B,PAK6	20.9971	16.8631	18.2899	18.4022	16.3495
OSBPL5	6.26204	3.84052	5.70043	5.35517	4.03051
ROMO1	442.727	493.405	406.914	362.7	463.096
SYNGR3	9.42123	10.7283	8.01031	8.7967	8.48784
ALG9	3.92004	4.07822	3.63123	2.95805	4.16339
COMMD7	28.5346	30.7178	30.8619	25.0047	28.557
ITSN2	1.8416	1.23281	1.32604	1.37577	1.36371
TUBA1B	756.542	697.509	735.548	697.064	618.6
C2orf72	7.90199	7.24568	5.78464	5.62355	7.32237
SMAD4	4.72852	4.5819	4.26713	3.6998	4.69948
ENTPD8	0.250961	0.446944	0.0249914	0.098633	0.463759
TMEM198	1.9364	2.07527	3.09106	2.44416	1.67085
FLJ45340	6.11941	5.58518	3.83112	4.87588	5.80739
NDUFC1	212.145	195.411	190.746	171.443	178.429
CACTIN-AS1	0.258812	0.253267	0.115207	0.272021	0.191213
MAML1	6.15701	5.9263	5.86898	5.54621	5.58801
MARC1	9.15318	9.65594	9.24034	8.48873	9.47742
MYOZ1	0	0.0250736	0	0	0.0231019
GBF1	6.64463	6.30213	6.415	6.16939	5.95667
FRY	0.0134799	0.00636786	0	0.0112339	0.00296098
SIPA1L2	0.404612	0.258442	0.401608	0.39107	0.246395
TEX264	101.299	97.7565	102.987	86.5089	93.0857
ZKSCAN2	0.940874	1.46393	1.18186	0.974838	1.25126
PGAM2	1.19507	1.03602	1.28549	1.23631	1.30886
SWI5	35.389	42.1439	36.6621	32.1332	33.7431
TADA1	7.88438	8.35628	6.83157	6.53559	8.15812
BTN2A1	5.94774	4.8272	5.75551	4.67409	5.24971
NLGN2	27.1783	28.5855	19.2647	22.0302	28.4223
DENND6A	3.39399	3.46746	3.55337	3.13262	3.36555
PARD3	19.3194	19.5043	19.6003	17.4657	18.2262
ZCCHC24	1.51814	1.76689	1.45631	1.42674	1.60068
CCND3	29.0364	32.3595	29.6245	27.5343	28.9885
C22orf39	12.5369	15.0291	12.6463	9.90272	13.8212
LOC731275	0.404343	0.400048	0.408349	0.294677	0.388225
SLC25A4	16.0623	19.176	14.3731	12.8986	19.2179
INO80E	60.6745	66.0189	67.3859	56.5302	62.6739
LRRC4B	1.2556	0.883903	0.848621	0.820518	1.11846
ZFPM1	2.90737	1.80588	3.15312	2.40609	2.28871
TAZ	24.1435	21.6323	19.7581	19.1811	21.6008
MED13	2.6386	2.65898	2.91008	2.37407	2.45412
SMAD2	5.48497	5.41372	6.18096	4.73791	5.26336
DERL2	26.3208	27.0586	31.2311	24.6914	26.3238
LOC440354	0.186879	0.328364	0.343561	0.236237	0.300153
PLA2G15	10.6465	12.7772	9.7191	8.42815	12.3152
MAN1A2	0.947439	0.707105	0.903473	0.727635	0.824417

PPP2R3A	1.11383	1.21034	1.07702	0.920306	1.32019
TMEM68	9.88178	9.31675	8.73193	7.17478	9.44824
AJUBA	13.3955	12.5087	13.7975	11.3075	12.5114
HIP1	4.69286	4.26601	3.70372	4.06945	4.14363
ATP6V0B	163.69	176.398	182.506	151.695	155.016
TAGLN3	0	0.0405665	0	0	0.0374198
MIB2	9.76916	10.3689	10.694	8.37141	11.5685
PSTPIP2	0.0588533	0.0211672	0.00922418	0.0489694	0.0197978
SEMA3B	0.68995	1.01854	0.574099	0.981305	0.637506
PLEKHG2	6.88055	6.42656	6.18708	6.34961	6.43555
PPARA	1.23274	1.12049	1.19217	1.0078	1.0988
HDAC3	68.3241	82.3292	63.4906	56.014	81.8397
ZNF654	1.98285	1.75084	1.6612	1.58049	1.7637
FLT3LG	10.2746	8.37035	8.84618	9.23707	7.66338
SYNJ2	1.06692	0.926161	1.26195	1.14682	0.786511
CST6	0	0.117752	0	0	0.108645
UBXN7	2.66261	1.63663	1.73731	1.79852	1.82534
C19orf47	8.48077	8.71074	8.62281	7.73257	8.54364
LAPTM4A	75.4039	95.9799	90.3899	69.3447	95.0787
SDHAF1	29.6767	30.6962	38.707	29.9392	25.5966
C17orf62	39.0207	38.8749	36.6108	35.8317	35.9419
NRIP1	0.681277	0.52797	0.498817	0.508912	0.536691
DCAF5	5.91965	4.7459	4.93857	4.76351	4.79341
GP1BB,SEPT5	9.52658	11.9511	7.09611	9.19094	9.73614
SBF2	2.49625	2.33192	2.16822	1.92584	2.35232
TRPT1	78.1698	75.5459	64.9763	60.967	75.0346
CHMP2A	115.878	117.661	101.369	101.494	104.974
APP	75.3507	84.669	74.786	64.3022	86.5718
PEAK1	1.43031	1.35623	1.16385	1.20884	1.26183
GNB5	8.04134	9.03437	8.68694	6.90699	8.81793
SNAP47	18.9636	19.5395	18.8683	16.3014	17.1734
SLC30A1	1.75431	4.25244	3.07844	1.7273	4.51819
EAF1	5.92886	5.35086	6.16001	5.65842	4.96317
PPIG	9.98072	8.26743	6.82159	8.08455	9.44775
LOC100130093	0.750009	0.833775	0.675034	0.625904	0.799203
ZNF385C	0.0500776	0	0.0152791	0	0.015837
EGLN2,MIA,RAB4B	52.623	48.1822	54.6974	49.858	44.0124
C22orf32	21.3589	31.9986	26.986	21.0407	26.7422
STK11IP	2.55959	2.63974	2.24575	2.26408	2.24487
FANCC	3.33258	3.29041	3.33622	3.09412	3.01719
RRM2B	6.92004	11.5506	8.65889	6.12137	11.1161
C20orf24,TGIF2,TGIF2-C20orf24	75.9989	95.8141	85.2283	71.4829	87.46
SERINC3	17.1922	16.4519	18.7162	14.4222	17.4493
LRRC37A2	0.23618	0.234098	0.201135	0.187662	0.253552
ZNF330	30.024	27.2595	28.3125	25.0224	28.3121
FAM41C	0.212437	0.66794	0.435018	0.355002	0.58499
C4orf33	5.84988	6.3984	5.35189	5.96907	5.56696
SMARCB1	91.8508	89.7956	86.3049	80.5742	84.208
CRYGS	2.30414	2.12932	2.22906	2.56759	1.6808
LOC100506844	15.2718	18.6058	14.2326	11.7513	16.6492
TMEM159	46.2506	55.1048	49.4225	40.5859	53.0095
MESDC2	7.48897	7.91249	7.65554	6.73607	7.54619
NCAM1	0.00816299	0	0.00506624	0.00679412	0.00537545
GDE1	21.8908	27.3289	22.2634	19.4031	25.876
CTNNA1	32.8927	33.8273	29.0694	27.5618	35.1264
FAM78B	3.609	2.92093	4.17511	3.14552	2.60292
EDEM1	10.9564	10.9182	9.8653	8.8199	11.1158
C12orf65	10.4675	9.77955	11.5058	9.91992	9.29945
RHOU	0.207736	0.302336	0.370909	0.262945	0.267674
CD83	3.08305	5.33241	3.44946	3.52664	4.34474
MTFR2	12.3784	9.30918	11.758	11.5616	8.94336
CREB3L1	0	0.0179069	0	0	0.0165497
NDUFS8	204.765	185.94	181.253	179.816	168.148
FAM89A	20.7294	22.7885	27.4839	19.9139	21.0069
NPAS2	8.50754	10.8555	7.15391	6.88521	10.0622
EIF4EBP2	3.62647	4.80241	4.58979	3.6136	4.56513
ACBD5	8.07421	6.2723	6.23143	6.61322	6.50823
NEIL3	2.52832	1.27966	2.04142	2.21528	1.47696
LOC388948	0	0.0356598	0	0	0.0329616
RAD51B	5.95858	6.16262	5.12064	5.002	5.69076
TNFRSF10D	33.0227	41.4186	27.6134	27.0893	38.7435
NKIRAS2	14.0232	13.7008	14.4875	12.7497	11.596
ANKIB1	3.07727	2.89462	2.7646	2.5938	2.77739
GPATCH3	8.13743	9.00615	7.52841	7.33062	8.31819
PIK3CB	3.03886	2.55465	3.01045	2.61583	2.46191
CPZ	26.0915	29.9935	23.6705	21.0956	30.2795
TREM2	0	0	0.0777829	0	0
EMILIN2	0	0.00960633	0	0	0.00888208
GNS	9.67246	9.97231	9.25444	8.63624	9.72894

ITFG1	10.569	11.0924	9.96957	9.19509	11.0897
LRRC37B	1.84085	2.26487	1.71699	1.63964	2.11994
FAM214B	4.29073	4.54169	3.90213	3.76685	4.33456
RRAS2	19.716	18.2715	21.0799	16.4357	19.658
C5	0.260163	0.453979	0.306199	0.262091	0.363728
TESK2	1.84497	2.82192	2.22576	1.65027	2.33363
AGPHD1	2.08779	4.1676	2.88257	2.73733	3.69971
PTPRJ	4.36041	4.69721	3.22415	3.36438	4.5799
NCKAP5L	6.3444	5.69743	6.60023	5.78482	5.4116
TMEM2	0.442311	0.513596	0.601888	0.46808	0.546126
NDUFA9	51.9276	53.6478	52.8695	43.4757	55.2733
PCGF3	5.55984	5.41417	4.94405	4.77566	5.44717
GTPBP8	8.57048	8.11405	8.50765	7.05375	8.49714
RILPL2	25.9481	33.7605	29.0295	24.2542	31.152
LRRC20	7.39098	6.87968	6.28971	6.46109	6.52664
PLXDC1	0.108318	0.111044	0.108646	0.0974561	0.108781
ARHGEF17	3.75831	3.5495	3.31427	3.02513	3.65409
ZZZ3	3.26065	2.75513	3.45323	2.59832	2.82136
GEMIN7	24.1604	26.8682	23.6706	21.0739	25.6542
EFCAB3	0.564128	0.469557	0.372648	0.319847	0.261644
HIBCH	2.60903	2.77923	2.38384	2.13107	2.89507
PBK	29.5768	24.9843	30.4345	26.6415	25.7335
DHCR24	43.1851	47.4165	39.1672	37.4183	46.8632
TBCEL	1.30194	1.44873	1.54482	1.28614	1.30594
COX6A1	670.091	691.99	617.633	555.082	682.256
LINC00638	0.192717	0.0936402	0.519284	0.230094	0.172791
HERPUD1	37.5126	44.4404	70.4484	40.7631	41.6613
FAM134C	17.0223	17.7662	16.8527	14.5278	17.0403
C20orf112	1.61024	1.50348	1.43388	1.50053	1.3698
CCNB2	49.0209	45.5142	48.9983	44.7912	41.5854
CELF5	0.527602	0.483762	0.32825	0.289242	0.42153
PPP6C	16.808	17.7894	18.2581	14.5413	18.2531
CSRNP2	5.65984	5.14239	6.6964	5.50228	5.09404
GTF2E2	25.7211	22.6996	22.8533	23.0645	20.0445
MRPL45P2	1.91184	2.7464	2.42017	1.71543	2.22418
SLC30A4	0.0912152	0.0976806	0.129526	0.118847	0.0928457
SOC56	1.99681	2.54684	2.3952	1.91658	2.49916
USP43	1.61572	1.20672	1.28659	1.45708	1.24584
PGM2L1	0.475644	0.468937	0.402558	0.440864	0.411075
ZYX	398.074	351.256	356.549	336.742	339.035
TKTL1	0.0210127	0	0.013011	0.0175943	0.0137666
CDCA8	32.0025	32.1453	35.4406	30.8986	28.4851
NXN	12.4188	11.7309	9.35511	8.73099	12.3885
SCAMP3	48.4631	55.4301	47.8122	47.6841	45.8066
KCNQ1	12.7103	12.4057	10.8252	10.084	12.4195
HMGB2	227.935	200.28	204.236	211.928	189.155
FNBP4	10.7596	8.9353	9.22681	9.88632	8.7749
LOC100132352	4.45355	4.68968	6.0921	4.18287	4.53513
AXL	228.035	245.663	210.043	192.561	243.981
FAF2	10.7281	11.1053	9.99769	8.89585	11.2889
CEP57L1	1.9925	1.58985	1.64187	1.39978	1.60848
FAM174A	8.33687	6.92753	7.50373	6.92052	7.10917
DNAH12	0.00414156	0.00910976	0.013185	0.010364	0.00287395
RNF111	3.01092	2.02384	2.6815	2.4717	2.03749
TRAPPC9	9.93946	10.5479	7.6077	8.23389	10.5783
SPEN	3.99528	3.50133	3.29517	3.63845	3.40373
SH3GL1P1	0.184539	0.413419	0.357253	0.189344	0.395281
ARHGAP18	1.67903	1.36268	1.31084	1.17659	1.77945
TEX9	0.4665	0.344946	0.51456	0.533714	0.313906
DIDO1	5.69758	7.40378	5.80652	5.98899	6.27049
ZNF558	4.69201	4.83812	4.94353	3.88716	5.02566
SEMA4C	14.0782	12.5435	13.7119	12.6531	11.6664
NUDT14	39.8689	48.0129	37.0318	31.0782	44.0726
SOX2	0.0700587	0.0796434	0.0696707	0.0467882	0.131063
COPE	287.008	282.882	251.957	237.587	269.025
KCNIP4	0.254146	0.0886583	0.429121	0.327646	0.154048
GSTZ1	24.517	23.377	26.0715	21.2247	22.2215
LIMK1	21.6505	21.5098	20.6083	21.6224	19.3977
NEURL3	0.0475801	0.0962951	0.0288967	0.039637	0.120147
KCTD9	6.71377	6.16044	6.27971	5.30153	6.50655
ITM2C	105.49	112.116	105.38	93.8415	108.202
MTFR1	15.6028	13.0165	15.7116	12.9362	13.5793
LAGE3	18.5662	22.7091	16.9452	15.8116	21.0099
UBALD2	84.5616	77.873	114.489	86.8751	68.2371
TCIRG1	44.217	46.6691	32.3065	36.1762	43.2377
IGIP	1.37434	1.15566	0.950287	1.32867	0.977051
HAVCR1P1	0.0574489	0.0813621	0.0237804	0.0317141	0.0507732
LMAN2L	6.83165	6.93125	7.12914	6.36109	6.82137
ARL4A	2.12237	3.88044	2.92803	1.80596	3.85231

SNRPG	275.235	252.97	269.762	238.07	240.747
PPP1R2	9.15592	11.3373	9.83212	7.85806	11.1834
TLN2	1.27936	1.03628	1.02883	1.08798	1.04006
ZRSR2	6.9043	6.50681	6.81842	6.56605	6.08833
HMG2	211.344	207.895	190.899	196.251	191.314
CRIM1	9.0148	10.6006	9.06561	7.89364	9.93779
KIAA0101	27.9865	18.9566	29.9414	27.3265	17.9096
RRAGC	13.5599	13.1293	13.761	11.6954	13.2637
DIRC2	10.9791	9.72479	10.8486	9.41116	9.94571
CNNM4	3.80403	3.72582	2.87539	3.12726	3.78567
PDK1	24.4016	24.2306	20.7081	16.7361	26.8008
CCDC84	19.5021	13.9657	14.3111	16.6102	12.1161
BRSK2	11.8433	11.9252	10.3886	10.7222	10.9634
CLIC1	599.232	628.393	543.27	496.881	613.363
ITM2B	47.7134	53.9815	50.8836	41.8028	53.3621
RAB24	27.1637	28.6382	28.3372	24.656	25.9073
LSM1	33.6686	34.9509	39.4733	30.5824	31.9161
RBPMS	34.3398	28.3842	32.9074	32.4643	27.9995
KANSL3	8.02024	7.44795	8.65019	7.2816	7.36797
TRAK1	4.18141	4.27413	3.98252	3.8566	4.1923
TIMM17B	119.227	109.489	117.918	104.707	107.082
FITM2	0.779564	0.959364	1.05434	0.895352	0.670582
BCKDHA	124.877	116.671	108.214	92.0896	120.484
LOC441155	0.117544	0.118691	0.0769527	0.0463739	0.104188
CTSH	17.5601	23.2522	17.9552	15.9181	21.6933
RCOR2	14.54	12.0903	15.6871	12.9759	12.1807
ZNF524	34.0767	23.3707	34.2681	30.6869	22.1622
SNRNP35	10.5463	13.8409	10.4431	9.11518	13.8802
NUCKS1	19.5035	20.224	16.0403	15.1631	21.2018
OSBPL9	15.0176	16.5072	15.1296	13.074	15.7316
ZDHC12	79.0799	89.2295	70.2195	69.2841	78.8017
SPAG16	8.10438	7.75249	7.72498	6.9533	8.21899
TMEM11	27.5708	27.1744	22.3459	22.5172	26.1005
FAM225B	0.476599	0.380387	0.470907	0.476308	0.376094
ZNF836	1.67572	1.28719	2.21319	1.75539	1.30234
AMZ2P1	2.20336	1.96361	1.98106	1.47837	2.21573
HERC1	0.773543	0.677956	0.656231	0.692363	0.629887
DCPS	38.4034	34.3214	32.1854	30.3378	35.2632
HEBP1	60.1292	77.6245	64.0501	55.7934	69.5832
LOC100288198	0.561549	0.509443	0.531876	0.419613	0.611866
RAB8B	5.59381	5.64487	4.92225	4.15297	6.30595
SWAP70	6.744	6.89884	5.66675	5.82151	6.4363
SLC35A1	7.12865	6.77889	6.68391	5.76132	6.78327
TMEM50B	6.98953	9.81054	7.50655	6.62187	9.41352
LRCH4	13.619	12.1948	12.1017	13.0147	11.2358
LDB1	19.7147	21.0319	17.7926	18.1306	20.7065
SDHAP2	1.20925	0.912197	1.18564	1.12878	1.15832
CAMK1D	4.5017	4.0295	3.41761	3.52855	3.90983
WDR88	0.0517228	0.0475964	0.0210112	0.0286293	0.0220642
GGA3	11.7064	13.1714	11.0671	10.1071	12.8782
RAF1	19.798	21.9635	19.4808	17.9855	21.1695
NDUFB7	263.119	286.437	236.219	220.742	273.02
CTSB	42.8744	56.477	48.6277	42.5013	48.921
ZNF2	1.42964	1.17073	1.69536	1.39024	1.04096
KCNRG,TRIM13	3.70999	4.59868	3.65251	2.92736	4.46445
NADSYN1	31.8336	36.1726	30.4313	27.5109	32.2832
MGST2	58.1125	79.5615	65.6275	51.7891	75.7127
DSTN	60.2637	72.3698	64.5782	52.5811	76.3123
SOD2	29.7264	35.6265	28.7275	26.1019	30.5176
CD72	0.686569	0.912452	0.466765	0.664104	0.80887
GUSB	25.7504	31.6076	24.6633	25.3227	26.6053
ARHGEF7	9.28607	9.84749	7.85398	7.66312	9.43814
EPHB4	39.4413	34.3672	35.6057	34.1169	33.4724
ARHGEF9	1.97629	1.84463	2.42022	1.51581	2.13575
ARSA	9.52471	9.04515	8.21813	8.50484	8.92978
ZNF225	0.590971	0.525444	0.67417	0.441122	0.585259
POLB	24.6904	21.5655	25.7718	22.112	21.6861
PPP1R14B	487.583	461.657	417.632	377.815	457.431
LRFN3	13.328	11.8147	11.4086	10.6591	11.8684
B3GAT3	40.1822	36.8788	38.501	35.5184	36.9237
NF1	1.17528	1.07738	1.07506	0.975884	1.10993
BLOC1S3	10.4504	11.492	13.7138	10.668	10.472
TMEM19	2.04826	2.56346	3.02755	1.96969	2.41768
AGPAT2	280.098	290.75	291.32	260.589	266.42
FAM21C	6.16589	6.45504	6.15298	5.92582	5.83594
OSGEPL1	2.04468	2.02856	2.22798	1.6959	2.16205
RAB38	23.2918	25.5518	21.8221	19.0697	25.8981
UNC13A	0.00279566	0.0113817	0.0203938	0.00464374	0.0175805
CCDC85B	332.673	242.223	351.935	283.309	250.801

ZNF565	0.95727	0.671051	0.557844	0.682672	0.659052
NAMPT	24.217	20.3526	20.5834	18.3247	21.5518
SESN1	3.86905	4.43829	2.66748	2.35934	4.66515
TMEM45A	12.8399	17.6712	12.5217	8.56489	19.8439
ZNF707	7.7853	9.7227	10.2577	7.54933	9.23569
MSN	0.038884	0.0090155	0.00802413	0.0432993	0.00833227
PNPLA6	30.465	36.1849	26.0602	25.9904	35.1189
PCMT1	54.927	52.9915	57.0613	47.934	53.4117
EHD2	8.24219	10.02	6.64742	6.74373	9.92043
PPIC	13.9932	12.416	14.0198	12.1495	12.5313
PPP1CA	209.959	213.794	195.853	192.506	192.984
FGD3	4.4995	4.49437	4.05944	4.12039	4.03353
PAQR7	19.6286	17.9417	17.3113	16.7191	16.6314
GPR89B,GPR89C	0.066592	0.0322671	0.0834514	0.0184944	0.0909725
SP3	5.7891	5.11405	6.4338	5.107	5.22606
RFTN1	0.0372547	0	0.022799	0.0154963	0.0237358
RUNX1	7.66022	9.57419	7.8439	7.18366	8.58385
ITGA7	4.23417	5.32637	2.36227	3.16785	5.52348
TMEM141	171.088	154.681	152.325	140.451	144.948
LOC100131347	0.0574007	0.0638458	0.0709108	0.0574176	0.0593194
ZNF254	1.12716	1.07497	0.808127	0.896936	1.07047
NOTCH1	8.48466	6.1027	8.05205	7.63693	6.02573
ZNF782	0.595983	0.648696	0.848513	0.683216	0.683424
MMS19	24.5913	23.781	24.8099	21.6833	23.0779
RALGAPA1	1.39837	1.06893	1.31322	1.11172	1.2247
CDT1	93.2413	61.1398	94.997	91.2254	57.0652
TRIM24	4.69796	3.5759	4.37509	4.19495	3.71937
B3GNT2	3.57345	4.0224	4.32704	3.18607	4.07554
HLA-J	1.24054	2.35093	1.25696	1.22429	2.05332
C20orf96	9.02152	7.98512	9.06641	8.48895	7.54121
LETM1	14.3493	15.0778	14.7148	13.1155	14.9744
ABI2	8.75473	8.08346	8.67284	7.38375	8.99057
TNK1	9.24708	9.14639	11.4241	8.76156	8.92288
GNA15	8.54834	8.40943	7.48032	7.54367	8.03812
FOXO4	1.71022	1.30324	1.60568	1.56476	1.55058
RNF10	32.406	31.9101	29.7814	27.3114	31.5498
MGAT4B	107.422	107.299	101.853	93.9852	100.966
CA12	8.52198	13.0731	4.75153	5.64258	13.4345
CYB561D2	33.0142	40.7386	30.8393	28.775	35.7104
C17orf49,RNASEK	438.007	402.699	401.83	382.716	365.997
PXMP2	12.24	14.2818	15.2249	12.3146	11.5811
MYO18A,TIAF1	12.6189	12.2596	8.62906	10.8721	10.9577
C11orf82	2.12451	1.88314	2.22742	2.14944	1.61
SLC2A4	0.677865	0.7649	0.785278	0.667207	0.907829
MIR1291,SNORA34	2.3511	6.32287	0	3.80827	0
ABCC6	1.575	1.20236	0.855758	0.764761	1.53865
ZBTB4	8.38588	9.51225	6.9265	7.2504	9.05251
ZNF79	3.56874	3.79541	5.04965	3.33706	3.30136
INO80C	12.11717	11.4235	11.8756	10.2447	11.529
ZNF660	0.00913083	0.0659059	0.0345554	0.0151376	0.0377165
APOPT1	23.5559	22.3961	27.6843	22.1689	20.399
MRPS34	181.427	175.175	178.609	166.558	165.815
C4orf48	59.4178	47.7194	68.3807	53.3723	52.2791
CLCN2	7.84925	7.21957	6.60872	8.10893	6.08451
TRERF1	3.43792	3.22696	2.10246	2.5119	3.40062
ING4	6.86863	6.96821	6.73046	5.88109	6.09836
DMXL2	2.55421	2.29851	1.89868	2.00133	2.45835
LAMC1	11.6195	11.2981	9.50954	9.20935	11.6359
LOC100506100	6.99849	7.49079	7.22111	6.97382	8.08757
SCAPER	2.49292	2.45732	2.14177	1.9566	2.52122
GABARAP	357.155	417.823	347.62	318.243	364.129
ZFP64	7.42591	6.26956	5.88927	6.16905	6.33435
SUMO1P3	0.093159	0.0539406	0	0	0.103537
QSER1	2.90023	2.1975	3.1197	2.64534	2.31513
EFNB2	1.2076	1.43169	1.01224	0.990391	1.37887
CDC42EP3	1.74147	2.04534	2.30167	1.70438	1.99371
HS1BP3	22.4935	23.2779	20.0918	19.7128	21.5722
KDM5A	2.63372	2.52528	2.1266	2.21712	2.38601
MYL12B	561.681	598.787	638.319	540.215	551.679
ITGB3BP	21.2717	15.6312	15.6392	16.409	17.9143
OSTF1	17.1324	16.6211	17.3159	16.2083	16.5962
ST7-AS1	1.93583	7.32249	4.21849	2.41321	6.86878
SLC38A2	29.1692	31.82	43.0363	28.4703	34.2359
RNF185	17.5	25.0424	18.455	16.2309	22.9073
FAM65A	23.6031	19.6625	20.4132	21.2637	19.069
SOCS7	2.18855	1.83808	2.3679	2.1052	1.65293
FBXO44	25.2814	22.2772	22.2852	21.6521	21.9671
ULBP3	2.10159	3.17269	2.29909	2.13988	2.47657
NEK1	1.27787	0.910088	1.20578	1.09778	1.08462

POM121L8P	0.37628	0.457455	0.28823	0.384425	0.374162
VEZT	6.67887	6.54048	6.25051	5.69544	6.90344
ZNF431	2.75889	2.45495	1.85498	2.30388	2.36755
SCARNA12	7.22607	10.3875	8.94442	5.92644	8.97595
MFAP3L	0.167751	0.220613	0.295891	0.199788	0.220049
PPM1A	4.03644	4.32509	4.01946	3.54309	4.21448
LINC00240	0.452538	0.761568	0.817837	0.893103	0.487102
POLR2J	105.049	125.106	110.103	94.3308	116.782
HYPK,SERF2	153.792	161.148	155.132	129.006	159.249
SEC61A1	80.7735	79.1355	86.3474	71.6245	78.1911
TBC1D10A	18.2954	14.7938	13.8248	15.1724	14.1465
SLC6A8	65.6195	73.8388	56.538	55.6496	69.8571
ALKBH6	19.3021	20.261	16.6161	18.7344	18.3899
MOGS	45.6895	43.2207	47.4933	42.201	43.4978
ACD	41.1854	38.5318	41.2419	37.6827	35.619
EMC3	25.8185	31.9677	28.2039	25.5726	27.9845
BARX2	0	0.0251002	0	0	0.0233856
PLBD1	16.2287	17.706	14.69	13.6923	17.8852
TSEN34	56.5057	63.062	53.7031	46.419	63.2435
KIF20B	1.74199	1.70387	0.555787	1.60636	1.60684
KCND1	0.656973	0.493314	0.274295	0.674758	0.40705
SPIB	0.0924591	0.0462219	0.113173	0.170027	0.0321906
RAB21	13.6232	11.7483	13.0719	11.1352	12.3817
CEP76	1.49544	1.50917	1.82421	1.45474	1.36309
PHLPP1	4.01189	2.65603	2.9873	3.23968	3.00875
MAN2B1	23.9154	38.5802	21.7996	21.3446	33.9735
SSH2	1.50821	0.806279	0.924148	1.02986	1.01445
C1orf115	3.429	3.80763	3.0481	3.25316	3.58782
NARFL	11.2396	11.8978	14.4182	12.109	10.203
TMEM131	4.83519	4.7408	4.72998	4.54233	4.56805
PHKA2	4.52906	4.50569	3.9793	4.00233	4.43997
CADM4	12.428	14.9579	12.5955	12.7027	14.0408
DUT	41.7489	42.714	43.3677	38.7037	44.12
CDK4	180.813	210.09	214.169	173.44	199.235
ABRACL	84.1241	82.0872	104.671	84.0009	76.0153
GTSE1	12.9359	10.2835	10.7117	11.4022	9.5227
SEMA4F	4.37719	5.59705	2.98996	3.7483	5.20512
RNF5	69.1745	72.3097	70.2983	58.1724	72.1856
LOC100505839	0	0.035573	0	0	0.0331592
RAB41	0	0.0381393	0	0	0.0355529
ZFP1	2.21148	2.47163	2.26714	2.06613	2.28328
ITPK1-AS1	0.0391116	0	0.0279581	0.0374704	0.014734
C1orf226	1.62151	1.62282	1.85911	1.91387	1.31762
C16orf72	9.27994	6.19745	8.67244	7.94896	6.38812
INSR	2.98004	3.21259	2.81564	2.95795	2.82644
AGTPBP1	5.65639	4.95193	5.13362	4.70295	5.01948
ASB14	0.390834	0.304317	0.193045	0.271954	0.298496
LOC646999	0.028064	0.0411273	0.0594001	0.047001	0.0388567
LOC158376	0	0.0578397	0	0	0.0539348
RILPL1	11.8237	9.82086	10.1979	9.97494	10.4273
DNAJB14	1.38248	1.24907	1.35932	1.28259	1.2912
ABHD6	5.56427	5.24615	6.07811	5.41448	5.25924
COA6	67.6154	67.2519	74.7113	60.1125	61.4455
SLC16A3	258.737	231.383	182.158	192.798	235.125
SH3TC1	5.47359	4.16451	3.39925	4.55065	4.21539
HOXB4	6.35874	5.01326	6.76432	5.81208	4.78264
FAM166A	8.60072	8.94524	9.21656	8.45252	7.96065
ASPHD1	39.6666	32.7857	38.0065	34.1106	30.7545
WNK2	7.24979	6.65702	5.74889	6.47277	6.26773
THAP7	27.7848	30.7122	32.7862	27.554	29.3015
PHIP	2.82447	2.54129	1.8878	2.51167	2.67608
CDH15	0.88335	0.951832	0.499646	0.571726	1.12236
TENC1	0.827454	0.885021	0.652732	0.696847	0.550398
GUSBP9,SMA5	0.586652	0.772874	0.610166	0.559922	0.703593
CNKSR3	1.67352	1.62988	1.78589	1.77566	1.51436
MAP4K2	19.3577	17.0908	15.6963	16.4025	16.6007
ANO6	10.8078	14.2595	9.25429	8.2124	14.9784
ENTPD4	3.95149	4.26254	3.4872	3.8853	3.87154
COL6A4P1	0.0113585	0.14317	0.0279007	0.0752539	0.0743204
DR1	16.1309	16.2937	17.2708	14.0721	16.1241
PTPRB	0.012079	0.0146167	0.0152543	0.0235407	0.00821131
DPF1	3.34964	2.62663	2.98617	3.15202	2.97581
NFKBIL1	41.5303	36.655	44.9455	35.7404	34.5519
DLG4	22.364	22.5328	18.8994	17.9962	22.4895
LY6G5C	2.00951	2.57962	2.19177	1.87	2.35651
OS9	60.3625	67.7104	63.1996	57.9493	61.7665
SUV420H2	9.33212	10.6949	6.77289	8.03793	9.99018
CERS6	3.43808	3.3136	3.04161	2.89875	3.26886
EBF3	0.076418	0.0518131	0.0595296	0.0789006	0.0324638

LRP6	1.27453	1.00494	1.26405	1.22674	1.04245
DCTN3	107.404	102.973	96.8622	89.7262	98.1114
PTPRN	0.127953	0.247926	0.0257045	0.0891984	0.153759
DGCR2	16.6088	18.7306	18.0173	15.0309	18.2669
PLEKHA1	4.25563	4.46374	3.75817	3.79289	3.82508
KLC4	5.51755	5.20773	5.75296	5.09637	4.98881
USP46	1.10625	1.15174	1.27302	0.983792	1.20632
CIT	4.33571	3.55158	5.02252	4.34255	3.5458
CD99L2	6.37224	7.02611	6.3259	5.41362	6.74336
CHRD	2.52444	3.05858	1.89034	2.79529	2.41192
ANGEL1	7.45579	7.18888	6.35951	5.97113	7.90327
RAD21-AS1	0.0894858	0.0480716	0.0848161	0.111716	0.0150836
STX7	5.28971	4.96138	5.20102	4.50715	4.69032
PDXK	19.4224	18.468	17.0972	16.8354	17.6598
MLLT10	8.6964	8.01495	9.63085	7.42764	7.75139
PTPN23	8.61571	7.78392	6.96676	7.11828	7.0734
FNIP2	0.395874	0.321511	0.336336	0.338916	0.348631
MAP3K2	1.84945	1.56618	1.52843	1.50837	1.65373
KIAA1161	1.05304	1.6227	0.904215	0.867851	1.61776
FBXW5	142.351	154.226	150.315	126.428	146.011
VEZF1	7.07055	7.81988	7.08416	5.99996	8.22014
ATN1	43.0839	41.8796	41.1233	40.1685	39.4028
KIAA0195	13.1708	13.8291	9.36084	10.8361	13.3003
LGALS1	6.78851	6.28871	5.91316	6.08554	6.31741
FGFR1	24.6355	23.9674	20.5526	20.9715	23.7765
FRS3	5.15251	4.39192	4.54493	4.83172	3.81046
CHCHD1	75.867	78.7951	68.6379	64.6411	73.2606
MON1B,SYCE1L	10.4462	9.47725	9.73838	9.82064	8.70082
ZMYM5	3.69875	5.13537	4.65473	3.15108	5.04142
SETD5-AS1	3.45744	5.03901	3.5675	4.0119	3.5122
SERPINA10	0	0.0156533	0	0	0.0146281
SDF2	17.5029	22.6958	19.3424	16.2402	21.2129
LIN54	2.12454	1.72687	2.2416	1.90533	1.77059
CLDND2	0.264312	0.527851	0.10581	0.14778	0.536008
SLC52A2	100.197	101.76	120.27	96.5969	95.2131
SUDS3	7.5309	6.66483	6.41624	6.098	7.27544
ENDOV	7.91495	7.95963	9.71583	7.30135	6.16333
TSPAN9	2.56906	2.53325	2.50854	2.5055	2.2627
DAG1	11.0837	13.2572	9.75375	9.8238	12.821
DALRD3	37.111	42.6794	36.2381	33.9368	39.8453
SIK2	1.95403	1.68637	1.9143	1.8055	1.53227
NFKBIA	17.8182	49.3672	16.7287	16.6173	42.5683
MAP7D1	41.6602	40.2231	38.5181	37.6367	37.7661
TRIO	2.8385	2.69611	2.30848	2.26585	2.74989
NUSAP1	42.4981	39.3003	35.8369	39.8061	37.1544
LOC96610	2.97923	2.65547	2.62641	2.74833	2.38912
HOXB8	3.44236	2.93309	4.02207	2.84078	3.73222
RAB40C	18.8812	16.7037	15.9005	13.84	17.2557
SLC2A13	0.569523	0.523508	0.427563	0.436467	0.606661
HDAC8	10.9683	9.92858	10.4315	10.247	8.94666
SELM	372.584	465.632	350.928	291.19	436.165
LEPRE1	17.0957	18.9487	15.7768	14.8246	17.7411
JAZF1	2.72172	1.9556	2.27959	2.27692	1.97402
RPS19BP1	125.019	112.547	144.946	115.157	105.851
MTMR1	4.11007	3.28142	3.80329	3.39685	3.66083
MTMR3	4.42951	5.72808	3.69454	3.89321	5.35644
IFITM3	396.012	343.906	312.976	316.177	329.819
VPS37C	14.5071	12.5046	14.5158	13.3187	12.0059
SMCHD1	3.34448	3.13912	3.19527	3.16655	2.97051
DNAH1	0.170541	0.200544	0.159742	0.1288	0.207803
SLC25A24	4.02292	4.47796	5.06317	3.49339	5.1289
MED21	5.45862	5.44375	5.52589	4.54325	5.45374
RICTOR	1.82199	1.65999	1.53491	1.45034	1.59611
BTBD10	10.978	8.90583	10.7242	9.50988	8.74825
RRAGA	68.5267	70.9957	63.1685	52.9362	76.7569
TMEM14A	24.9971	26.4688	22.0589	20.953	26.9998
LOC388796	109.605	118.556	131.229	100.779	110.617
SBK1	4.46779	4.27779	4.38866	4.387	3.99359
TUBB	517.294	482.438	468.836	463.674	444.432
STAT3	10.096	9.8449	7.8495	8.15708	10.1387
IL17RC	16.795	17.7892	15.3124	14.2572	18.9383
TUBG1	47.2336	44.409	41.4789	44.7879	39.6194
ATP5I	764.998	773.897	715.507	658.876	703.724
LINC00852	0.368723	1.59012	0.404492	0.464297	1.32787
PTMA	1148.09	1226.12	1074.31	1028.36	1138.32
RFX1	4.4583	3.46601	2.93264	4.09739	3.00719
WWC2	1.00326	0.845144	1.01209	0.949467	0.905525
TXNDC11	8.09474	7.81917	8.83176	6.74347	8.3608
ARF5	318.187	304.722	314.221	281.382	286.596

RALBP1	17.9355	17.4476	14.4358	14.6744	17.7347
CKS2	463.684	432.427	468.115	403.781	407.114
ETFDH	3.30841	3.14371	2.96145	2.80441	3.29679
BLOC1S1, RDH5	118.298	118.835	114.751	107.545	109.65
MRPS7	39.7145	41.0599	41.701	36.4469	39.9577
MCC	0.0508507	0.02142	0.049598	0.0598602	0.0280216
RBM42	66.0345	63.4336	66.5753	67.7442	54.0761
CRAMP1L	2.44337	2.20845	2.19943	2.42941	1.98896
LRRRC16A	1.79862	1.44203	1.77033	1.65207	1.62395
ORC4	4.42616	4.77654	4.69354	3.8083	4.85916
C4orf21	0.868564	0.579313	0.60853	0.829383	0.623818
HSPB1	908.665	930.768	812.975	799.48	854.818
NAA60	22.4378	19.2173	23.9974	20.167	19.4691
STK25	78.8471	89.7351	75.8818	71.3466	83.728
PAPD7	12.5474	10.4237	11.1048	11.2222	9.81741
ULK2	1.54264	1.52654	1.94084	1.48679	1.72318
ZGPAT	13.7641	17.5882	12.4609	13.771	15.6023
POLR2J2, UPK3BL	56.6155	52.9771	46.8771	51.0255	49.5323
SDR39U1	58.3881	55.6345	50.8432	55.1	51.0983
OFD1	5.67089	4.97713	5.41058	4.87503	4.98668
APOL4	0.021476	0.0300972	0.0177436	0.0238034	0.0281852
RHPN1-AS1	2.09828	3.51952	2.3107	2.02411	3.09734
C1orf131	5.08194	5.98417	5.12997	4.7734	6.25013
FXN	9.50591	10.5374	9.18003	8.48966	9.7012
MYNN	2.52894	2.35773	2.35335	1.88657	2.65657
NDUFB11	131.358	133.29	127.03	108.469	134.015
MAP1S	25.8005	21.5699	22.0046	21.8833	21.4174
RPN2	78.2637	89.3933	80.1968	73.5751	89.2571
RB1	5.51232	5.53776	5.27627	4.81488	5.79042
TRAF2	40.4536	30.1241	42.8686	39.5736	27.7448
SPOCD1	12.6999	10.0723	16.0494	11.3727	11.468
SAMD1	51.6698	60.898	44.3029	45.0758	54.4147
TP53	28.8541	26.3715	28.264	27.5833	24.3376
POLL	24.8413	21.6976	25.4398	21.9935	20.5185
FSBP, RAD54B	4.2506	3.72827	4.40109	3.87143	3.85203
TRAF1	0.99488	0.994141	1.11474	1.23711	0.743593
PROSC	29.7708	31.2421	30.0095	24.3791	33.1202
RAB12	13.1123	12.0573	12.9852	12.2379	11.5427
SRRM1	23.0664	20.4863	16.8663	17.6072	22.2327
GPR108	37.11	39.13	41.0461	35.6597	36.2348
CYP4F35P	0.459316	0.449629	0.257768	0.376439	0.404452
NECAP2	21.9677	25.0484	25.7575	19.2425	23.914
PIGN	3.41996	3.09778	3.03622	2.84463	3.20846
H2AFV	43.5058	45.121	40.5105	41.5508	38.3737
LOC440288	2.56488	2.00455	2.96797	2.39858	2.35763
CNPPD1	48.0036	45.659	47.5955	43.2121	41.8339
DSN1	10.4091	10.5164	8.26804	9.14037	10.3807
NUAK1	1.3246	1.2826	1.06004	1.07435	1.4479
MRPL48	23.2534	24.8881	25.1047	21.2654	23.9985
ZNF519	0.397468	0.402921	0.403625	0.40554	0.362664
CAMK2G	6.48689	6.55834	5.94262	6.03655	6.38993
PSMD6-AS2	0.191525	0.108161	0.210014	0.152222	0.204544
SOX12	21.3903	17.9863	22.1155	18.1388	19.7313
MELK	12.3372	7.94265	12.683	11.2312	8.80661
ZNF384	17.7953	15.1482	15.7851	16.1411	14.4443
LZTS2	62.624	61.9438	52.4344	53.1638	60.8072
BHMT2	0	0.0139918	0	0	0.0131183
TTC21B	1.81782	1.81178	1.71355	1.6618	1.74928
HPS4	7.1364	7.09748	6.08677	5.95879	6.90668
KAZALD1	2.876	4.2026	2.86314	2.91941	3.65351
NCKAP1L	0.0261964	0.018188	0.0564543	0.0434989	0.0507139
SLC35E1	16.7952	17.0352	13.6814	12.5047	18.0624
CEL	1.18675	0.62389	1.02627	1.21436	0.850742
ILF3-AS1	4.05485	7.34132	7.67876	5.80383	6.38997
CTU1	15.3513	9.43455	16.6554	13.4092	11.4879
GLG1	18.4087	19.9111	15.7875	15.0338	19.9306
DEPDC4	0.163474	0.354537	0.232202	0.101176	0.308859
LPCAT4	31.3095	36.9029	25.2181	26.1633	34.9542
ATP5E, SLMO2	673.888	733.033	675.56	600.227	656.795
KCTD10	10.389	11.0797	10.6481	8.97017	11.2396
ORAI1	38.6496	34.956	37.3551	35.5024	33.1187
KIAA1522	16.6419	15.8331	11.8978	14.6332	13.9642
IDH3G	73.9972	77.289	59.1397	59.1101	72.2565
SH2B1	14.8211	14.6264	15.0882	14.2181	14.3167
ADAM21P1	0	0.0149719	0	0	0.0140439
PIP5K1B	0.0248482	0.0476786	0.114023	0.096262	0.0336196
FAM114A1	5.04728	5.52975	4.4279	4.17607	5.6315
FAM46B	0.349401	1.02659	0.540406	0.500437	0.798907
KAT5	12.5907	13.9479	10.3572	11.2215	13.5443

FAM104A	14.5657	14.3366	14.148	12.8344	14.8063
BBX	2.59333	2.53241	2.15542	2.06774	2.7533
PRMT2	21.0718	20.9342	19.3201	17.4783	21.5398
FLJ22184	17.4318	13.8408	13.4103	15.7808	12.8848
MRPL43	86.9243	97.1632	86.4426	75.3297	89.8288
C7orf49	15.1716	27.4197	20.3143	16.6342	24.5253
PPP1R13B	3.09562	2.34193	2.65462	3.07022	1.90443
OSBPL11	1.10438	1.37852	1.412	1.15713	1.16722
ATP5J	162.941	158.969	172.812	153.031	151.341
STIM1	9.37486	10.693	8.52729	8.85948	9.8555
CCDC42B	0.346126	0.0499334	0.319196	0.0644542	0.405802
ATRAID	105.315	126.439	104.501	89.8667	118.8
NAB2	50.0954	42.9849	35.5642	39.4924	41.0614
AQP11	0.979664	1.56757	0.65337	0.842729	1.50119
DGAT2	4.86401	6.70078	6.54302	6.21916	5.5418
MRGBP	45.7807	42.0065	38.7064	35.0261	45.045
C1orf27	3.17425	3.39549	2.91617	2.88117	3.25113
RNF8	5.85128	7.05027	6.00079	5.27232	6.72844
AKR7A2	39.574	42.6564	36.8526	33.3873	42.2923
ATG12	9.57092	10.1681	10.0484	8.84563	9.77731
RAB15	10.32	12.3462	12.4353	10.8451	12.0775
DIP2C	2.57332	2.54085	2.25961	2.3708	2.51023
GRIN2D	23.9498	17.61	21.3356	22.0706	18.4061
ZMPSTE24	6.45007	7.09337	9.42663	7.10418	6.64844
SRSF4	57.5114	45.6106	41.2813	43.5022	48.0119
CEBPD	22.7605	37.738	28.5393	23.9822	31.7743
FURIN	21.9316	22.3712	21.7951	20.793	21.2524
RAP2A	3.34115	3.1346	3.41985	2.74818	3.25346
TDRD7	6.00718	5.62091	5.52038	5.4491	5.10909
ZNF219	17.7755	17.7	20.3117	16.8666	15.8209
SMIM11	14.3952	14.8072	20.2405	14.0444	13.8696
PNPLA7	2.30405	2.34642	1.53015	2.08146	1.89772
KIAA0319L	8.08279	9.0154	7.37664	7.31686	8.60246
TXN2	97.8068	111.783	97.3143	92.2367	99.018
ZRANB3	0.482515	0.564732	0.630717	0.581314	0.502131
DDX59	6.15624	4.92619	5.09476	5.29961	4.57786
TMEM183A	35.5724	37.3026	36.0717	32.3291	35.1193
GALT	14.6306	14.0497	13.6197	12.9502	12.2248
ATXN1L	2.34056	2.44164	1.9782	2.15526	2.2613
PLXNA3	7.21137	8.58827	4.44559	5.61271	8.9129
RAPGEF4	0.105697	0.0835484	0.0464321	0.0263533	0.128673
NME4	75.1041	86.0298	73.4821	67.9872	75.7308
TSC1	5.21691	4.52145	4.01537	4.67279	4.26534
TMOD1	1.2029	0.860832	1.13647	0.835267	1.25138
BOD1	36.5285	38.4182	39.3313	31.9	37.2126
PGM3	5.00917	4.82483	4.86394	4.49232	4.99357
CNOT6L	2.76042	2.58038	2.68529	2.46997	2.71345
FAM195A	116.359	112.288	112.723	97.2144	108.536
EXOC1	6.22546	6.10794	6.43841	5.34752	5.60596
PLS1	3.36622	3.35666	3.24158	3.30025	3.65788
PTCHD3P1	5.30568	5.25885	5.84634	4.64793	5.87256
ZNF212	8.86895	10.8264	7.73519	8.64353	9.45633
HDDC3	16.6746	20.7388	17.2745	15.6493	18.815
DSCR3	16.8373	15.8138	14.9094	13.893	15.7033
GTF3C2	12.4976	12.7265	12.7614	11.7767	12.0603
PAFAH1B3	108.754	110.697	106.606	96.7027	106.738
DYNLRB1	178.113	185.248	175.437	157.921	181.372
B3GAT1	8.39065	8.19327	7.97262	7.9684	7.78804
SGSM2	9.83345	11.5995	9.04611	8.89641	11.5297
MT2A	11677.9	7781.27	6100.33	9076.17	8770.46
SPRN	2.60699	2.52842	2.952	2.62484	2.55847
MTMR9	1.15774	1.18941	1.45065	1.1659	1.31243
CCNF	11.4213	8.28229	11.1001	11.8671	7.30982
NTHL1	35.8834	39.2628	34.4841	32.6774	35.4459
ZNF483	0.315095	0.393123	0.137471	0.244547	0.368518
LPPR2	19.8787	18.2082	17.5112	15.3013	18.5343
MITD1	19.0898	19.1193	18.6453	19.1641	15.0048
C19orf60	63.0007	49.7488	66.1861	55.382	56.4527
TCEA2	0.0285753	0.184197	0	0	0.101942
UFDL1L	23.2855	27.6843	28.151	23.8068	24.1058
HLA-A	1087.06	1405.03	1086.4	935.661	1356.8
MANBAL	50.4221	61.9141	57.2186	47.4932	55.2899
TTC31	5.81927	5.42373	6.1039	6.10977	4.96942
DAD1	190.832	249.832	214.281	170.349	238.792
PCCA	1.6101	1.38407	1.04528	0.832166	1.85523
PHLPP2	1.42873	1.33211	1.52192	1.34892	1.34511
PIGH	12.8876	15.9881	16.3603	12.4099	14.2745
AGXT2	0	0.0146943	0	0	0.0138156
TPRA1	53.0923	46.95	49.8926	47.997	42.1796

SLC24A6	10.9599	10.7855	11.1677	10.7988	10.111
ADNP2	11.4112	11.3932	9.83493	10.146	10.7257
OGFRL1	13.1056	14.3352	14.5	12.1486	12.782
KIAA0040	1.52079	1.93059	2.13502	1.9275	1.62427
CDC45	37.4384	30.5325	38.0465	38.0821	26.6696
LAMTOR5	156.563	157.528	130.042	124.604	152.79
RPS27L	70.1362	91.5496	70.4349	62.5129	82
KCTD21	1.00015	1.09441	1.11593	1.07638	0.933784
MGST3	83.8534	89.2095	76.7134	72.1926	86.5933
SCIN	0	0.0121141	0	0	0.0113923
HSD17B12	27.163	25.345	29.4927	23.5853	27.3367
PPIL3	15.7358	11.7803	16.0032	12.5573	13.4861
CLEC2D	0.672407	0.589628	0.598811	0.59167	0.639239
GET4	42.2288	39.2868	46.145	39.6491	36.6315
SNX25	5.01896	5.12091	5.47159	4.58126	5.4433
MAST2	21.6699	23.2595	17.8844	19.3433	22.2009
SPTBN1	9.89428	9.2488	8.76566	8.74807	9.36277
CRTAP	32.55	45.8733	31.7185	27.7839	43.1807
ANKRD49	5.25911	5.9949	5.76975	5.08959	5.54324
NPC1	11.4136	10.1952	11.0699	10.7233	9.65009
PBRM1	2.14149	1.5868	1.97235	1.98712	1.66218
LMCD1	0.147946	0.0755908	0.0678224	0.184366	0.0234369
SSNA1	169.195	208.588	196.503	158.933	178.635
TEX21P	0.066476	0	0.167162	0.109975	0.0297601
LLPH	47.5377	55.2152	49.9142	45.2187	51.1777
HDAC10	15.4192	16.2656	10.7367	14.1314	15.8298
ELAVL1	18.3396	18.6064	17.4978	16.3174	18.5022
SSR2	302.566	339.005	322.715	278.505	314.558
CBLB	0.78488	0.47232	0.554787	0.699523	0.495521
ABHD10	13.8839	15.4481	11.9651	11.4416	16.4208
CTSA	56.0727	66.1322	48.7922	52.8107	56.1345
TMEM97	22.8905	30.3946	22.0459	21.7464	28.3926
SEC11C	27.437	26.6376	31.7036	29.1295	22.6389
ETV4	71.4155	63.1773	70.7233	65.9157	61.7948
TCF3	30.976	31.1511	30.6071	28.3367	28.6243
DCLK2	0.642498	0.651502	0.658306	0.562337	0.661442
CPT1C	5.52542	6.13704	4.12019	4.68576	6.14582
CTIF	12.3403	11.4304	10.8708	10.4529	11.6914
DHPS	49.2084	53.5439	47.3641	42.2955	49.7733
SNRPD2	563.914	669.752	570.52	502.809	613.797
FKTN	2.98046	3.63806	4.13032	3.19519	3.15488
EEFSEC	17.7535	15.2013	15.1674	15.7971	14.5654
REEP3	3.49915	3.61482	4.26774	3.36865	3.642
ST3GAL4	19.7525	18.3048	20.8272	16.8702	17.939
UBR4	6.12423	5.9226	5.76979	5.4373	6.06162
ANXA11	73.9066	77.0063	64.432	64.0509	74.8364
ARRB2	99.5932	102.901	91.5022	84.6195	102.286
PICALM	24.2369	23.1155	24.7395	21.3622	23.1891
NRIP2	0.101883	0.238221	0.112616	0.101896	0.142687
C2orf43	3.03639	2.97511	3.41654	2.71539	2.86587
SH2D3C	0.445675	0.424818	0.146771	0.466968	0.353397
TOX4	9.84569	9.6501	11.7216	9.34528	8.63673
GRIP1	0.46326	0.342582	0.364723	0.384688	0.293732
C1orf21	2.57591	2.95448	2.29473	1.83663	3.36519
DOCK11	0.745908	0.595634	1.00158	0.722551	0.688605
ARHGEF39	8.00058	7.87134	6.50311	6.61721	7.5717
C3orf52	5.09923	6.2404	6.48351	4.76855	6.20843
PTTG1IP	78.7136	90.7576	80.9484	69.6358	90.6938
GMPPA	32.7162	29.1422	29.964	29.9475	26.7217
CAB39L	3.2386	3.48738	3.20052	2.90756	3.22663
SCML1	4.00382	2.85175	3.57567	3.59543	3.14329
TMEM42	10.2868	13.7378	13.2953	11.2125	11.0756
TMEM251	23.6945	24.5278	26.0194	22.7347	22.2401
SLC35A5	3.08833	2.58366	3.86739	2.57485	3.04639
NUCB1	107.622	129.08	96.1388	93.7133	120.064
UNC45A	35.5663	36.1342	31.7189	30.9385	35.5884
HMG3	23.8839	25.8031	26.9499	22.7374	25.2508
POC5	3.78982	3.10743	4.66539	3.68259	2.98246
TMEM238	24.05	21.8853	22.2662	19.1367	21.8755
RHOC	270.075	294.067	273.751	241.525	272.902
GAPDH	7719.6	9677.76	7455.04	6199.84	9228.95
BRSK1	10.65	10.417	8.73278	9.20644	9.49572
BRI3BP	15.2253	15.5112	11.8044	11.6175	15.3035
HNRNPU-AS1	5.48838	6.73199	5.89118	5.3182	5.98103
CD40LG	0	0.0193221	0	0	0.0182039
SPIRE2	10.1435	7.96198	9.38026	9.66337	7.65298
C4orf36	0.34626	0.267434	0.430651	0.193753	0.446735
FOXRED2	9.36883	9.27603	9.78733	9.8296	7.67127
VPREB3	0.597264	0.229388	0.408972	0.141612	0.425821

TNK2	10.6515	9.56502	8.37897	9.23507	9.08307
RELT	14.3121	12.2819	10.596	11.1491	13.5735
KIFC2	19.0424	20.652	12.3959	17.545	20.0155
CANX	78.7023	85.2563	82.611	71.4429	83.7565
BATF3	25.4071	24.2193	26.3923	21.9447	24.4579
MPC1	19.6115	16.5613	21.2596	20.7461	16.6214
GNAZ	4.16724	5.24725	3.86637	4.12597	4.97936
ASIC1	7.83694	8.63186	6.51738	7.04765	8.63575
POLG	16.2767	16.9159	13.9913	14.0714	16.5482
GABARAPL2	128.391	92.6415	114.974	106.829	87.6694
TRAF5	5.94409	4.45189	3.93407	4.67911	5.01748
PPP1R35	68.8808	72.9639	89.3754	76.932	62.2794
FAM76A	1.09133	1.1986	1.33372	1.25097	1.06552
CHST12	10.5242	8.3972	11.8554	9.26681	8.48744
ENY2	36.567	36.3052	37.7228	31.9576	35.1047
FAM98B	4.65143	4.45288	4.66352	3.97075	4.23616
MMAB	6.24433	6.38252	6.43358	5.25629	6.07443
SLC9A3R1	55.784	48.6465	53.4543	48.5619	47.7036
MCM10	4.66778	3.42352	4.00521	4.59566	3.53058
VPS26B	17.9638	16.4123	16.433	15.2391	16.9607
CYTH3	4.83214	4.49058	4.6786	4.13138	4.29874
ZNF229	0	0.00642104	0	0	0.00605295
GEMIN2	10.0513	7.10972	10.6241	9.0503	7.33459
STAU2	6.85138	6.66496	7.5834	6.36966	6.83546
HERC6	2.99315	3.13745	3.12039	3.20214	2.96652
CELSR2	2.4223	2.85686	2.07271	2.36796	2.50783
SGK494	0.649283	0.641545	0.565944	0.634121	0.557153
SQRDL	10.846	12.9017	10.1267	9.38771	12.388
MED4	14.1614	17.5404	15.5599	13.5529	17.5477
PRKD3	2.46353	2.6434	2.16486	2.26904	2.6636
SNPH	1.22392	1.54182	1.30784	1.21411	1.16708
HMGXB3	16.7051	15.1437	15.6244	14.562	14.8858
LIPT1	7.67804	8.14573	8.71379	6.9832	8.79231
IKZF4	1.38192	1.2783	1.06503	1.17556	1.24934
GCOM1,MYZAP,POLR2M	8.56772	10.131	10.6203	8.21534	9.38143
SEC24C	13.5998	11.0333	10.784	11.3691	11.4627
AGAP8	0.992157	0.874857	0.833094	1.03574	0.689607
ALG1L	0.306879	0.241297	0.636368	0.438434	0.443273
ZNRF2P1	0.842472	0.58755	0.84908	0.532615	0.804366
TOMM7	297.147	414.365	322.539	279.81	347.585
PMS2P1	10.822	10.9962	12.5728	9.12064	11.6146
AUP1	166.462	181.77	179.643	158.254	162.662
ATP9A	2.53811	2.9048	3.1517	2.78563	2.42236
METTL14	2.82744	3.58811	3.14663	2.71824	3.44539
RAB26	12.8727	12.5481	8.80666	10.2091	13.53
LOC100507140	0	0.0192567	0	0	0.0181637
MARK2	12.1284	10.5337	11.4706	11.0894	10.9753
ARL5B	3.56941	1.87417	2.83379	2.7846	2.12804
PERP	29.2186	35.6633	29.1303	25.769	35.2405
ZNF282	28.823	22.2087	28.3685	26.9817	21.4056
NCOA2	0.283494	0.316303	0.2612	0.294143	0.2073
HBP1	6.0451	5.74244	4.99124	4.84552	5.71109
IFI27L2	199.724	208.529	210.898	184.972	195.423
PAWR	19.2774	14.0882	18.2514	17.3775	14.2579
CENPJ	1.45098	1.20683	1.21973	1.36814	1.08989
AP4B1	6.56334	5.84	7.02401	6.02973	6.55031
MCF2L-AS1	0.864263	0.767705	1.15326	0.891889	0.842762
CLK2	22.4356	19.3154	14.2079	19.3202	18.7336
C12orf45	47.3577	49.7653	48.1604	43.2019	42.5098
FXR1	6.29869	5.81085	7.01697	5.86308	5.55687
QRICH1	18.6025	20.4482	17.094	16.3252	19.7579
AMMECR1	1.44586	0.928878	1.60239	1.24628	1.16609
EPAS1	2.62004	3.2429	1.76809	1.94891	3.11158
WARS2	6.00508	4.73949	5.99712	5.2996	5.49199
LARP1B	4.70769	5.29762	5.48362	4.09023	5.61592
SIRPA	4.57045	5.20109	4.09439	4.79744	4.82556
RAB3B	3.3536	3.14405	3.15973	2.9054	3.20746
PRR5L	1.45271	1.11833	1.52141	1.36159	1.08744
CCDC88C	4.12999	3.29987	3.4959	3.65491	3.1151
NPR3	0.0383296	0.00945828	0.00407081	0.0159865	0.0270521
TMEM63A	6.29101	5.26749	5.10113	5.50974	5.21405
MALT1	5.27948	4.12543	5.72441	4.91192	4.79052
HOXB2	21.9219	19.8023	25.3347	21.8788	19.9156
SNUPN	20.7146	17.8461	18.5004	17.2288	17.7532
ATP6V1A	7.09522	6.94372	5.87621	5.52992	7.0048
RRBP1	18.928	16.9482	16.487	16.8701	17.4354
ZYG11B	1.90418	2.15915	1.4737	1.55772	2.20887
IFIT2	0.0702807	0.194565	0.0666972	0.0979234	0.15125
DERL1	27.3418	29.4841	31.3498	24.5955	30.5049

ZNF177,ZNF559,ZNF559-ZNF177	2.23628	2.93305	2.74858	2.65149	2.38712
GIT2	8.73571	8.64423	6.23072	7.04769	8.75497
UBL5	519.267	569.928	499.024	432.711	543.016
DAXX	34.9915	31.3797	33.605	31.2638	28.633
MINK1	23.2354	21.7811	17.0718	18.5611	22.7454
TRIM38	1.77181	1.74306	2.1808	1.8357	1.6998
NEDD4L	8.42651	9.64633	7.62648	7.07407	9.38962
C9orf37	7.08686	5.16865	7.32998	6.85673	5.08384
DNAJB11	21.848	25.9733	22.9034	21.7447	24.1263
CIB1	206.605	225.559	164.101	164.094	222.37
SPR	71.6915	80.4407	72.8455	64.9777	74.7301
KLHL15	1.17683	1.94982	1.28014	1.07141	1.8784
RAB2A	23.0069	24.7646	27.2819	20.7904	25.4755
CLCN5	0.888484	0.748959	0.688926	0.852021	0.686502
MTRNR2L8	31.1589	43.5537	35.3571	31.0776	40.4331
IP6K1	9.52474	8.1146	9.55461	8.52039	7.81389
TRPM4	11.3388	10.0387	6.78401	9.4598	9.99405
BNIP1	16.6864	14.5968	15.8849	13.88	14.1834
NDUFA12	109.621	97.7417	101.913	99.0616	92.9875
SHISA5	103.085	110.232	90.6199	88.2838	104.828
FNDC3A	4.98633	5.18282	5.11488	4.53363	5.21189
SMC2	5.97559	5.48875	4.2067	4.83913	6.19239
PDSS2	2.41669	2.39497	2.39981	1.88018	2.84494
C15orf62	0.210526	0.346289	0.388364	0.308708	0.212768
SPAG7	43.0969	44.4388	34.8597	35.2522	45.8674
ADAM20	0.0284708	0.0311138	0	0.0238599	0.019455
ISOC1	8.97669	7.49492	8.6823	8.01276	7.80981
ZNF48	10.9722	10.4847	13.4199	11.3431	9.52456
PARL	50.3418	49.6395	47.2142	42.9788	50.7996
SGSM3	18.2505	17.2039	16.2182	17.0318	16.9262
TMEM161B-AS1	2.60642	1.74443	2.11229	1.62082	2.25933
TMEM30A	11.2283	14.1594	12.1736	10.2585	13.5822
STX2	3.82687	4.54009	4.05929	4.21796	3.54065
BAG4	4.3576	3.94178	4.25224	3.93693	3.91013
MRPL18	69.25	69.7159	76.2619	68.8169	64.6398
ABLIM2	0.396119	0.328724	0.507509	0.341972	0.300666
C17orf59	18.1009	13.6715	15.9094	16.8328	12.3642
LSM7	271.759	251.162	249.009	223.661	252.812
C9orf96	0.0879118	0.177814	0.119855	0.110181	0.175847
CNN3	69.485	78.8103	70.0696	59.5519	82.4555
MYO19	13.9124	12.5345	14.385	13.6001	11.985
IDH2	59.5703	68.2197	51.6589	51.6874	67.6053
USP39	28.5068	31.8148	32.8979	27.5917	31.7389
TULP3	10.6995	9.92139	8.6771	9.10632	9.9835
ZNF275	3.25582	3.42024	3.17323	3.20361	3.10619
TRMT13	2.20359	1.99543	2.99024	2.35825	2.11613
RNASET2	57.4573	67.3899	51.0872	51.6106	61.1237
PPDPF	676.837	620.888	540.278	598.351	575.687
WASF1	3.11472	2.85572	3.40496	2.70491	3.0172
RPA3	19.7815	17.3748	17.9024	17.5486	17.6502
KDM4D	0.443396	0.381897	0.421456	0.406575	0.459716
TP53INP2	6.00379	7.83764	7.11384	6.0685	7.62921
DBF4B	7.10826	5.20436	7.55813	7.33532	4.78905
C10orf76	4.23698	3.86402	4.3259	3.70029	4.11627
UBE3D	2.03514	1.59365	1.66349	1.89253	1.49708
ARHGEF3	1.27361	1.34725	1.37459	1.06837	1.43407
SLC11A2	7.29584	6.81905	7.44597	6.64141	6.91694
AKT2	16.9698	17.1962	16.6098	15.0709	17.3938
CCDC38	0	0.0162628	0	0	0.0153741
RGL2	26.3394	27.9896	24.9687	22.1318	28.4859
WDR24	7.10626	8.04802	6.40698	6.39622	7.83583
RAD1	4.27194	4.26132	5.35903	4.50106	3.85383
MKRN1	47.268	47.9942	44.0389	40.3487	49.2769
SH3GLB1	9.01811	8.81536	9.35783	7.7187	9.05585
VAT1	181.602	202.253	175.472	163.44	186.836
CHRAC1	28.4724	30.8819	31.2887	25.5469	32.2572
C10orf35	25.3339	26.9244	23.0632	23.9819	24.6701
R3HDM1	4.17877	4.11058	4.45669	4.24004	3.66779
WDSUB1	5.48113	4.40884	7.18143	4.8855	5.30822
TRAF3IP2-AS1	2.69606	4.05767	3.65698	3.33888	2.98431
COPG1	39.0627	38.4748	39.7831	35.6061	36.7486
PNPLA8	2.15341	1.60233	2.07501	1.89131	1.75306
NIPBL	2.02814	1.89304	1.38842	1.74783	1.99493
FAM173A	70.8388	73.6295	79.5971	64.4863	67.2229
ZNF354B	1.81336	1.58247	1.65003	1.63654	1.65557
CNST	3.92927	3.18518	3.34569	2.96304	3.38903
CD320	284.858	296.072	251.762	226.158	303.774
PRKX	6.62297	5.19872	6.3259	5.87858	5.94391
LCMT1	36.6488	40.9298	39.4275	35.9471	36.0521

COO6	20.2773	18.1002	17.6572	17.2869	18.1234
HIPK1	2.61372	2.34319	2.53098	2.24523	2.5329
TOMM6	146.303	150.703	120.301	123.622	141.814
PSMF1	32.3538	32.084	37.7417	29.2042	30.8445
HSPA4L	3.72537	3.28672	2.41543	2.56811	4.17439
CKB	5.42516	11.3525	3.98261	5.10333	7.92011
RCAN2	0.00663709	0.0195316	0.0676763	0.022185	0.0184342
EXO5	2.42204	3.43802	4.28474	2.99889	2.74961
NDUFB6	58.9634	60.3181	58.0833	52.5232	57.8342
GUK1	284.811	319.763	231.255	226.945	302.081
RBM7	12.0022	10.5531	12.1929	10.1634	11.0093
ENPP4	1.63018	1.7716	1.56727	1.44383	1.86979
MARCKS	12.4736	11.0229	12.4696	11.0183	11.5516
RDH13	10.6706	6.69568	10.3859	8.52305	7.59028
PHC3	2.02213	1.78663	1.42665	1.48289	1.84557
RPL23AP82	4.97794	6.105	4.79323	4.17607	6.3617
LOC100129518	0.0364684	0.284235	0.271178	0.121392	0.242798
OSCAR	2.09009	2.9668	2.19272	2.63988	2.28715
MRPS22	41.9809	41.0091	44.1464	39.0372	39.2589
DGAT2L6	0.0154587	0.0219508	0.0192229	0.0257107	0
KIAA1804	3.73845	2.33897	2.94597	3.18052	2.28563
MED20	3.43495	3.62381	3.92994	3.32185	3.34178
RPN1	78.4049	84.7227	82.4577	71.0953	86.7596
ELL	13.5895	11.9323	12.2423	13.341	10.6961
CREBZF	6.16708	5.28251	6.54755	6.07424	4.96236
B3GALT4	0.311874	0.450001	0.0674724	0.0947694	0.689181
PCED1A	17.4574	18.5151	14.2459	15.7514	16.6103
PIGC	9.61392	12.0858	12.7919	10.3298	11.2632
DDX50	33.0427	27.0707	30.2132	25.606	31.7192
PARP6	7.72685	8.09148	7.00112	7.24174	7.55351
VAMP1	3.22201	6.26016	2.16901	3.38508	5.10036
RBM23	25.6888	26.6052	25.1395	22.0243	26.7433
BCL6	5.61726	3.93029	2.93359	3.83139	4.31103
PTAR1	1.69485	1.49358	1.65387	1.4521	1.60193
QDPR	34.5543	34.3076	31.3848	30.7187	32.9118
EMC10	34.161	37.5151	33.2844	32.9991	33.4277
CINP	28.2069	32.9438	22.0439	22.5105	33.2119
MCM8	2.73887	1.87933	2.09981	2.52502	1.89337
AIF1L	40.8265	46.8473	40.9106	37.5697	44.3925
ZBTB40	2.57177	2.17955	2.66394	2.42753	2.08698
CDRT15P1	0.263974	0.265766	0.478375	0.383889	0.162254
ADAMTS2	0.10218	0.191325	0.0241454	0.129791	0.0646673
ZC4H2	5.35195	5.80652	4.0283	3.84823	7.1087
SNX3	129.986	145.842	133.649	108.822	152.175
FAM220A	7.38114	7.01569	7.36934	6.79438	7.13159
DDX60L	0.333796	0.257537	0.371858	0.287506	0.285862
HECTD4	0.980768	0.836302	0.731356	0.779072	0.868546
DOCK8	0.413948	0.484593	0.365059	0.445787	0.378349
RGS16	2.81849	5.69695	4.55846	3.96981	4.21962
SAC3D1	43.3957	48.8954	43.1402	39.6516	43.8563
TPM1	48.1556	43.4072	58.8839	46	44.3354
STARD9	0.430168	0.573106	0.345566	0.351233	0.54484
C21orf2	4.42167	5.3277	4.63974	3.82341	5.21326
POLR2G	114.865	117.09	122.691	112.938	101.871
BCL2	1.30345	2.41251	1.48421	1.44227	1.93152
KLHDC3	52.4061	50.2226	45.3113	44.3581	48.6125
LRRCC1	2.60873	2.52841	1.04574	2.44293	2.36743
MYBL1	1.06835	0.756832	1.34834	0.969767	0.859032
SAFB2	12.4704	11.1944	13.8827	11.8839	11.8347
SPDL1	3.03555	2.53351	4.06689	3.57353	1.99566
DHRS11	9.85707	15.5201	11.7314	10.2392	13.6379
TAOK1	3.84306	3.57984	3.63887	3.3905	3.46186
TXNDC17	35.5547	34.0579	30.5269	27.7682	35.137
AMPD2	43.4104	47.0902	28.2409	32.9733	48.496
AIRN	0.0265534	0.050876	0.0165396	0.032439	0.0436998
TTLL4	7.29097	6.49148	6.25638	6.3989	6.43789
PRG4	0.0711465	0.0466458	0.0474777	0.0554849	0.049674
NSD1	2.10669	1.85709	2.18656	2.05493	1.75333
LAMP3	0.812418	0.585016	1.07458	0.800185	0.626712
GOLGB1	3.76698	4.07584	1.3163	3.11095	4.18534
CHAF1B	9.136	10.7383	8.1247	8.84085	10.2569
SIMC1	11.8281	7.73458	10.675	10.3562	7.77918
SHMT1	19.5907	17.695	17.0964	17.9726	17.8935
ZBTB3	1.08297	1.56783	1.00915	0.680181	1.58449
CCR10	25.0397	23.1077	27.1538	20.9672	28.4459
ZDHC8	11.7329	11.3356	11.3721	11.3318	10.3945
HYAL3,NAT6	28.6301	29.5885	24.3107	24.7673	28.7681
HIST4H4	0.979127	0.186456	1.32809	0.697285	0.696145
TKT	319.176	280.786	329.61	279.099	284.69

NME3	73.5171	78.2905	76.6665	71.514	72.7577
DEPDC1B	7.0778	6.8106	8.10662	6.74085	6.23507
ALDH7A1	16.139	15.9075	14.9243	14.1504	16.2928
APOA1BP	143.743	166.157	133.872	130.288	148.999
ZBTB41	0.606122	0.450483	0.445763	0.473647	0.508018
PPFIA1	6.48318	5.58856	6.59282	6.21433	5.47794
KIAA1549L	1.27893	1.39284	1.15768	1.12161	1.36674
TNFAIP1	11.745	13.4749	12.1235	11.3753	11.8364
RDM1	2.34427	2.01882	1.69598	1.95889	1.59629
ONECUT2	0.377903	0.384172	0.359688	0.352442	0.31971
FTSJD2	11.23	10.9364	9.11627	9.54213	11.1206
VPS72	40.7451	48.2093	37.9113	38.4219	44.4009
ZC3H12D	0.0202888	0.0283393	0.0250232	0.0226558	0.0349655
MED1	5.00268	5.17712	4.96968	4.76013	4.72954
PTPN12	8.91668	8.5656	8.697	8.37288	7.98889
NUDT18	11.1937	11.0015	13.5596	9.72877	10.515
VAV2	17.1889	15.5541	15.8101	15.951	14.9209
WDR47	1.88172	1.6455	1.69427	1.50949	1.63155
ARL8A	27.3303	27.1254	26.5474	26.3192	25.1269
PRTN3	0	0.141542	0.0638973	0	0.194736
CENPI	0.691234	0.605451	0.544417	0.502024	0.680946
PRSS56	0.486793	0.389909	0.215037	0.256071	0.566266
LDLRAP1	8.98817	10.0097	9.18645	8.88311	9.12701
YPEL5	15.4913	17.6183	17.3374	12.98	18.4035
AIFM2	23.3091	21.0977	20.5909	20.8006	19.472
PCOLCE	21.9842	17.7564	15.2426	20.1676	15.3975
RAD23A	138.85	128.973	129.022	127.425	121.107
PLCD3	18.4218	21.4782	17.2032	17.8113	19.9435
SPPL3	12.3988	13.6776	14.0144	11.3662	13.2631
TBC1D17	12.428	13.6065	10.5954	10.8226	13.4149
DCAF7	28.0297	31.3205	27.1711	25.4625	30.2872
FMO4	0.330671	0.712727	0.310856	0.531769	0.433859
CD3EAP	2.09305	2.39772	1.84182	1.6624	2.27886
MPLKIP	25.9749	21.2095	30.0432	23.3505	21.884
HEXB	66.995	68.0472	73.6914	60.9642	69.7911
C14orf159	7.44408	6.88633	7.0915	6.84472	6.58748
DUS3L	47.5349	43.1888	40.85	41.726	40.9384
ANAPC16	18.5131	23.5338	25.6128	19.4124	20.8294
SUFU	4.21218	4.13231	4.27079	3.78274	4.15707
TLE6	8.47693	9.38034	4.72128	5.801	10.3225
SLC1A1	2.09273	1.87595	1.92696	1.45555	2.10225
ETFA	104.063	104.104	101.368	90.0305	106.756
FAM98C	49.4064	47.5579	50.9626	47.3814	41.4428
NDUFA6	55.5993	66.7599	62.6897	52.1892	63.4985
TRIM45	0.438433	0.666479	0.294175	0.446346	0.494778
KCTD7	1.81635	1.14675	1.65265	1.65527	1.2933
AAAS	25.4081	24.2851	24.9354	24.9749	23.0313
ENTPD6	31.6255	36.5429	35.6416	31.6526	33.254
MYO5C	0.702808	0.53948	0.746847	0.616601	0.676642
C7orf13	0.732769	0.635542	1.5917	1.07464	0.70464
GLTPD1	19.6415	26.6954	21.364	19.9523	23.8436
GNPDA2	4.12104	4.34673	3.88986	3.15384	4.73985
LCORL	4.16861	3.04642	3.45748	3.496	3.33495
FAM89B	30.5193	36.7256	35.7133	32.4769	33.0486
CDK5R1	2.73058	2.67245	2.44796	2.29263	2.77284
JPH1	3.538	2.22404	3.40353	3.34066	2.58263
MRPL14	120.105	123.275	121.071	103.65	120.583
ZNF525	1.21199	0.928304	1.18991	1.12822	0.896
RAD51C	18.2363	20.0718	23.182	19.8115	18.3142
RSBN1L	3.39049	2.34818	2.79953	2.56373	2.79737
ATXN3	1.99516	1.93465	1.61825	1.67995	1.93449
F12	33.954	33.2617	35.8692	28.5397	34.7408
SEC31A	7.05356	6.68583	6.51648	6.04421	6.91415
NIPSNAP1	80.7278	86.0009	70.1273	66.7267	87.0119
THAP3	25.8167	29.5039	22.6857	22.1509	24.6379
UQCRC2	91.5863	98.0827	92.7339	81.1542	95.0864
MMP1	0.177349	0.159569	0.221277	0.156454	0.194398
SRI	71.1119	64.7052	73.0278	61.0889	71.5547
ATP5SL	26.3971	33.0689	26.8764	24.2696	30.0279
ZNF845	1.33731	1.45274	1.14948	1.27342	1.20113
KIAA1009	0.415612	0.419018	0.204915	0.429771	0.373692
ACOT8	19.9506	20.1837	18.1501	16.7797	19.865
PROM2	0.358978	0.344776	0.179867	0.317989	0.369553
ZMYM3	7.7281	9.33553	5.51295	6.49532	9.59284
NELFA	48.3383	38.2384	38.4371	41.9384	38.5032
NUMA1	20.9865	20.8989	18.1559	19.9718	19.1721
PPM1B	8.71503	7.89696	9.02717	8.53608	7.0513
PINK1	19.1332	19.2465	19.6343	18.3902	19.0192
BFAR	19.6995	18.7825	21.4773	18.7342	18.8582

PIF1	6.97648	5.62279	7.14273	7.73212	4.86127
MSRB1	23.2172	27.0503	24.5167	22.804	23.7988
NIPSNAP3A	5.88268	5.75333	6.48613	5.35108	5.78808
TAF10	142.702	143.223	133.044	129.775	131.376
CKLF,CKLF-CMTM1,CMTM1	53.8103	70.6417	51.5309	50.3172	63.7323
LIG3	6.80466	5.74777	5.31195	5.53888	5.81107
CCDC126	0.948894	1.42248	1.06122	0.842049	1.26193
RND3	5.85264	6.32944	5.44273	5.03799	5.74996
C9orf129	1.95559	2.64732	1.79362	1.89808	2.03814
KLC3	33.9617	34.5946	37.6184	30.6903	34.4259
ASCC2	22.2801	19.9295	21.3991	19.7054	19.7755
IMPA2	29.8586	32.5733	26.3732	28.8312	31.1266
TBC1D15	5.4541	5.99386	5.73511	4.85912	6.06441
RALGAPB	3.52431	3.3545	3.68475	3.43917	3.38716
ERLEC1	11.452	10.7837	12.9446	10.2935	11.3832
SLX4	1.62842	1.16491	1.61692	1.67514	0.979649
TYMS	20.6221	24.3221	18.8025	19.4748	25.3514
MOB3C	4.05971	5.71787	5.37432	4.12203	5.55083
NHLRC2	1.47099	1.09646	0.992438	1.18836	1.04726
TNIP2	44.9896	48.6087	48.8287	44.3735	42.6109
ACVR2A	0.612163	0.726444	0.801596	0.631517	0.674637
ZNF740	6.86695	6.90949	6.97145	6.29385	6.49914
B4GALT7	36.8005	32.7773	32.6848	30.1155	34.2784
ZNF75D	1.09638	1.23673	1.43746	1.37743	1.20796
SEC22A	4.20758	4.47133	4.35348	3.80885	4.43846
NBPF15,NBPF16	7.10981	7.17627	5.68967	6.39798	6.39933
LOC100506060	1.21718	1.02033	1.26544	1.24564	0.904631
ZNF92	2.30028	2.25685	1.47132	1.90024	2.28169
IRF2	5.47269	4.21134	5.86749	5.37129	4.43809
SNX2	26.4481	26.465	27.8527	24.4109	27.2607
MYH9	75.4031	64.721	62.4063	63.071	69.9455
GTDC2	9.7631	10.5686	8.09829	8.20967	10.5715
REEP5	21.9354	25.2631	27.8311	20.5599	25.2882
SLC25A34	0.224964	0.145465	0.158754	0.218452	0.0740043
EXOSC10	24.2847	22.5325	22.1145	22.0398	21.703
LRRC6	0.967766	0.930785	1.0596	1.30799	0.759451
IL11RA	0.751325	1.23748	0.952901	0.827992	1.41354
VAMP3	20.5089	26.2193	21.8642	19.2657	25.3149
TLR6	0.762027	0.681141	0.621345	0.57305	0.708348
SNX7	11.3734	11.7046	11.7597	10.1411	12.6801
C11orf30	0.938752	0.753508	0.670115	0.856967	0.747272
CLASP1	3.64844	3.06046	3.00071	3.05359	3.38109
N4BP1	2.90005	2.72837	3.23501	2.9509	2.78777
RANBP9	10.5818	9.44524	11.7652	10.0569	10.1515
NCS1	50.0396	52.5915	49.8354	45.4835	50.6669
METAP1	31.9921	29.2792	31.4421	27.1435	31.6625
PARM1	1.30539	1.67511	1.27646	1.15882	1.58336
ZNF780A	1.75257	1.34415	1.95714	1.59024	1.27899
CCDC69	3.72875	5.2154	3.3633	3.6916	4.76728
COG2	5.46313	6.7807	6.5362	5.1275	6.82801
ASPM	3.08521	2.39015	1.47771	3.08977	2.10517
AGPAT1	37.1573	32.7719	35.8561	34.0161	33.2541
ACTR3	0.566954	1.49152	1.26109	0.877321	1.36213
RALGDS	51.9845	54.9744	46.4052	43.064	55.5115
CFL2	13.1523	16.3633	12.8184	11.4108	16.5024
RNF40	18.3843	16.8648	15.5389	16.3643	16.8758
VPS52	9.66859	9.61388	8.42639	9.55978	8.48794
MRPS14	12.3642	10.2568	11.1429	9.93981	11.4152
TTC33	1.59248	1.61027	1.59263	1.3564	1.58051
PIN1	94.1539	89.2944	91.4721	81.5593	88.1271
SERHL2	0.0232905	0.0316686	0.112497	0.0768731	0
COQ3	12.0368	10.7923	10.9052	11.5137	9.75169
DPP3	18.1694	16.3877	15.1533	16.3192	16.0695
FOXD4	0.721436	0.566133	1.54578	0.895379	0.808624
NAGA	12.2803	13.446	11.5632	11.5162	12.1676
CTC1	3.1013	2.88033	2.71434	2.97455	2.79355
FAM83D	16.4658	15.9169	17.9294	16.8967	14.6978
WIPF2	5.1466	4.93353	4.2802	4.16761	5.15811
RBM41	1.2808	0.99177	1.02117	1.37322	0.981129
SQLE	20.6818	14.847	19.797	18.3623	16.1473
IRF5	26.1055	24.2043	26.3857	23.1583	23.852
FN3K	43.0467	40.8811	30.8362	35.9171	40.2222
SOS1	2.06423	1.82811	2.12361	2.03489	1.7241
ELF3	0.053513	0.0494387	0.0656613	0.059243	0.0691828
CHRNA7	1.35837	1.54273	1.30361	1.18601	1.54305
FBXL4	3.56906	3.55431	3.62848	3.29442	3.52688
ZNF592	3.59443	3.46601	3.25539	3.04829	3.51986
RBM6	16.2642	13.6519	12.9448	14.6755	13.7161
LSM2	119.535	112.425	112.568	103.235	109.601

TRIM62	3.16957	3.45575	2.77556	2.93524	3.3812
EFCAB4A	6.51844	6.31375	6.93949	6.45827	7.00079
PLP2	415.756	492.837	435.569	384.725	467.104
BCKDHB	6.61183	8.63135	8.70193	7.11993	8.47564
SCARNA18	2.7448	22.5621	0	0	19.0988
SDC4	47.4697	79.1825	43.8149	41.3782	75.8404
EIF4E3	3.4037	3.36008	3.31179	3.02469	3.68741
MRPS5	41.1291	39.1241	38.4824	37.4391	37.1376
FBXO18	21.5014	20.0524	20.8477	19.8797	19.5494
CNTROB	14.9103	13.2347	14.0445	13.0756	14.0968
HMG20B	105.425	118.866	110.434	102.27	106.25
TUBGCP5	4.9153	5.92118	4.2612	3.73083	6.23262
ATP5H	278.023	304.224	294.543	263.812	277.495
ARID1B	3.24152	2.73573	3.20642	3.15592	2.68105
PGBD4	0.37723	0.792857	0.404485	0.502709	0.608419
PWWP2A	7.9232	5.24751	5.7834	6.18343	6.17667
KLHL24	2.74619	2.50796	2.70513	2.33502	2.58873
TMEM259	84.2903	73.2594	75.1812	74.2553	74.553
UPP1	567.898	467.677	608.365	502.729	489.612
MRPL28	116.12	106.874	116.453	113.972	98.915
STEAP3	15.2832	16.3475	15.6056	14.5267	15.0961
SLC44A1	10.5795	13.0924	9.71509	8.92673	13.5786
PRKDC	12.2326	10.1199	10.8571	10.8651	11.4194
MAF1	187.005	192.315	223.65	178.832	188.039
GPR153	5.35236	5.90703	5.84186	5.4737	6.23188
TUBB4B	824.193	843.644	819.184	764.828	791.43
C19orf24	112.468	112.863	125.829	100.773	108.781
PCDHB9	0.397782	0.35845	0.424603	0.264704	0.525037
NR1H3	4.5253	3.44348	3.40751	3.52689	3.376
FAM172A	2.04501	2.51505	2.0165	1.67863	2.58193
RBKS	1.91922	3.43285	2.34607	1.88273	2.99244
SUV39H1	10.4955	8.39876	10.6609	10.0681	9.31472
MSTN	0.00728151	0.010933	0.00935465	0	0
METTL21B	3.36479	3.63327	3.12583	2.68846	4.03295
RHOB	17.6295	31.2272	36.1637	22.2219	29.4623
RTN3	51.5973	55.2235	53.4512	47.6761	57.7174
COG3	2.67882	2.35424	2.90452	2.72458	2.33786
GTF2A1	3.53711	2.54367	4.07532	3.57966	2.6837
ISYNA1	5.91302	5.37508	4.57709	4.91885	5.39092
AP2A1	30.3427	27.8194	26.7874	26.8116	28.1476
GPX1	673.712	808.207	670.806	597.654	753.731
DVL3	17.154	18.4892	16.7129	15.2034	17.4667
NR1D2	3.10987	3.91898	3.46178	2.96021	3.6452
CMC4.MTCP1	15.3649	15.7237	13.9768	11.5503	17.8066
SMG7	8.92159	8.26003	9.25031	8.40147	8.23306
C4orf47	1.61134	1.74084	1.0308	1.24783	2.22538
CDSN	0.153348	0.142358	0.0628277	0.0857718	0.163435
MTSS1	1.94469	1.94759	1.87019	1.78615	1.83578
PPP1R15B	6.21955	7.95547	9.33534	7.10375	6.98715
LOC284889	2.52384	1.79113	2.28391	2.4741	1.83577
NDUF55	399.366	415.607	343.174	351.795	389.311
BTBD6	43.3463	53.5353	46.6333	41.9929	48.9714
NCK1	7.77425	5.58442	7.57267	6.56841	6.44861
FKBPL	4.87617	6.28519	5.87252	5.38397	5.35618
SCARB2	20.0985	26.1935	20.9624	17.8619	25.6184
ATP10D	0.754295	0.853862	0.841285	0.714255	0.801546
WDYHV1	13.4833	12.2588	12.1672	11.0434	11.9352
MRPL42	12.7404	14.4312	12.6048	11.0064	14.5205
ARHGAP29	34.5084	32.8497	36.6961	31.0546	32.8867
SIRT4	2.35931	1.95496	1.46998	1.70912	1.98819
ZNF266	9.6952	10.9662	8.73992	9.5111	10.109
DXD17	73.9893	66.9458	66.0389	66.3636	62.9729
MED30	36.985	35.7597	34.0463	33.5488	35.7721
MCTP2	0.863396	0.869921	0.61385	0.668858	1.02749
CA3	0.790153	0.699712	0.626836	0.607662	0.802988
CLPTM1	45.7648	45.2155	43.4824	41.993	45.8141
CENPM	31.1585	31.6524	36.9487	34.7156	25.4881
TSKU	17.4614	17.4254	15.3656	14.9176	17.443
DOCK4	0.564106	0.42374	0.386032	0.47048	0.448182
ORAI3	14.6203	17.9213	15.9122	11.865	18.6588
PLEKHG3	14.6336	10.8836	11.6598	12.7447	10.5113
ACSF2	6.0601	8.38921	5.95267	5.71807	7.64556
HNRNPH2,RPL36A,RPL36A-HNR	1417.73	2310.19	1584.88	1448.9	1833.31
LOC654433	3.51984	1.57201	3.12613	2.78474	2.09395
FBXL3	5.63778	6.33398	5.48586	4.39467	6.7771
USP25	3.80478	3.78457	4.49454	3.66606	3.76401
CEP350	1.35172	1.28148	1.22305	1.1897	1.33576
LAMTOR1	97.3869	102.391	96.7284	90.0793	97.6362
FAM3C	18.818	21.1563	20.2301	17.4851	22.4471

NDUFB1	178.242	173.086	177.294	162.388	159.389
MIR497HG	1.33863	1.24013	1.46076	1.38803	1.11638
MYH11	0.0828322	0.0539824	0.123271	0.0950306	0.0449121
ZNF335	7.22527	7.02722	5.57315	6.39198	6.65498
IKBKE	2.841	2.97403	2.12311	2.21865	2.68766
TMF1	3.85506	3.29815	2.86894	2.92653	3.76579
ATP6V0E1	182.401	235.889	199.015	170.948	207.732
MED26	6.02813	6.1251	6.02783	5.20245	6.41569
RNASEH2A	66.925	63.2031	64.3491	64.4587	58.4381
CNTRL	2.37715	1.88064	1.96859	2.47546	1.71083
IKZF5	3.62311	3.54576	3.62057	2.69718	4.03227
ZNF280D	2.8509	2.88697	3.67776	2.84761	3.25838
IFNAR1	6.07123	6.10129	4.97405	5.03767	5.94601
SERINC1	15.8919	18.9615	17.2299	13.5387	19.847
PCTP	7.62832	9.3673	9.01122	6.71666	9.58049
WHAMM	6.02952	5.06023	5.0269	5.23598	4.96814
FCHSD1	12.0969	12.8553	11.6121	11.3121	13.3311
NET1	8.5844	8.66308	6.9169	7.55835	8.38404
ACAA1	38.7908	40.1591	37.0085	34.8762	38.1146
LOC285033	1.03333	1.6669	1.593	1.01273	1.47406
SMNDC1	56.4317	41.2664	49.3708	48.6814	45.5664
HHAT	0.424878	0.633637	0.529593	0.499626	0.620363
SUCLG1	51.5121	45.3842	52.2884	47.9507	43.5413
EMP2	3.49414	3.70316	3.12605	3.38034	3.4488
MAP2K4	6.17446	5.29429	6.3242	5.84902	5.07068
HNF1A	0.408894	0.476154	0.503471	0.527245	0.362833
ARHGEF10	6.8235	6.71453	6.41546	6.33422	6.49947
RPL13	761.346	1269.34	846.004	752.318	1067.42
ZNF516	3.09874	2.25297	2.85219	2.80416	2.36308
B3GNT1	10.7723	15.7872	9.03179	10.4385	15.2671
FAM118A	6.08942	5.76234	5.29851	5.78297	5.01886
UQCRC1	233.643	239.933	224.546	208.541	230.007
USP31	1.75616	1.60861	1.72229	1.56637	1.51962
PXN-AS1	1.96	3.90015	1.98869	1.73538	2.95958
SPINT2	2.54024	2.10082	2.41531	2.46705	2.1837
SIGIRR	48.5066	49.2508	42.7989	44.3626	44.987
GPATCH8	5.89236	4.90471	5.00184	5.2433	5.16205
PIK3R1	1.02863	1.09025	0.907544	0.85579	1.12354
BA1	0.599245	0.751594	0.482247	0.54111	0.76087
ARF3	42.814	45.6536	44.4284	39.8592	47.1122
PCDHB13	1.85934	2.33925	1.41583	1.67724	1.90102
CNOT8	35.8875	31.5554	24.1428	27.1077	34.8868
NMRAL1	35.2427	40.5264	36.8339	33.7059	36.0531
CCDC163P	0.845356	0.902858	1.26706	0.843662	1.10772
TRIM68	0.737541	1.02292	1.15767	1.11281	0.740263
GPRIN1	5.1824	5.92212	5.67587	5.27608	5.42535
LOC100288778	15.1621	13.9636	13.2844	13.1614	12.4374
TMEM219	111.119	119.745	109.203	99.6592	109.488
SUMO2	307.491	286.577	334.874	285.852	277.856
CNOT3	19.7587	16.3392	17.7505	16.2911	17.5955
ARL6IP4	200.57	210.973	202.378	183.655	201.246
SNRPE	63.3592	65.6921	58.8362	57.2123	62.7569
GOLGA5	7.81326	7.73527	7.30683	7.1758	8.03433
RABIF	2.40901	3.70144	3.02085	2.40219	3.67686
PTPN18	15.7087	16.251	15.3612	16.3354	14.272
RANBP3	24.6917	25.0508	23.1662	22.9989	23.3115
HOXB5	2.58124	3.07441	1.96439	2.74887	2.35749
TATDN2	7.91441	8.82348	7.85136	7.72217	8.15092
TSPAN12	1.31282	1.16418	1.57195	1.14281	1.34369
UBE4B	5.83389	5.06793	5.53683	5.06672	5.27743
HECA	4.73948	5.04375	4.16845	4.08999	4.94045
BNC2	0.883211	0.894022	0.789159	0.781047	0.960844
GRB2	38.4817	38.7902	40.9899	35.9623	39.9292
PSMC3IP	26.6669	20.759	22.5252	23.9563	19.6899
SLC19A2	9.72006	6.99846	9.62501	9.3831	6.63707
ZBTB7B	12.3824	8.86604	12.2553	12.8397	8.03852
LRP4	1.72725	1.62517	1.21613	1.61378	1.44157
TBRG4	85.3749	79.5019	67.0807	74.3172	76.9205
C5orf30	4.88279	5.36873	4.35114	4.02521	5.44586
EXTL1	0.0323232	0.0286402	0.0777812	0.0540587	0.0779993
GOLGA6L5	0.382302	0.285086	0.191214	0.278228	0.3586
BCL7C	109.263	124.83	91.4321	97.22	115.552
ZNF236	0.962168	0.694966	0.81191	0.79669	0.766619
ZNF205	22.8904	16.4045	20.734	21.4149	15.5223
LRP3	34.4394	35.394	38.9648	34.9452	34.8598
OSBP	17.03	14.477	16.4183	16.1304	15.0139
C8orf48	2.74182	2.08902	2.46644	2.50171	2.05884
ABCB7	15.2973	15.6106	15.5589	13.4513	15.8354
PMS2P3	0.785283	1.01896	1.0393	0.723634	0.969152

ATG4D	21.3286	18.6997	21.0796	19.0037	19.0152
IMP4	130.11	141.064	130.209	121.897	128.539
TMEM199	6.58948	7.97642	7.98555	6.8556	7.21149
POLR2H	236.289	253.007	217.755	194.496	248.4
LEMD3	3.43573	3.13563	3.43642	3.02233	3.36342
SLC22A23	1.71408	1.72086	1.73403	1.67421	1.56759
SNX17	42.9454	47.8033	43.8186	40.616	42.8551
ZCWPW2	0.0964728	0.160512	0.122933	0.180812	0.137458
PLXNB1	5.09591	6.91491	3.84898	5.49854	5.87658
ZDHC6	13.5015	11.8333	18.2315	14.189	12.423
FAM105B	2.38038	2.49335	2.09661	2.08747	2.44177
GUSBP9	0.0598407	0.0834688	0.0727547	0.0998081	0
SPON2	0.341606	0.571506	0.477197	0.449529	0.525449
KDM4B	14.3225	14.1491	10.507	11.5281	14.3823
OCIAD2	262.184	290.018	261.056	245.763	276.211
JARID2	2.44126	2.42424	1.85906	2.01344	2.3529
PEX14	27.3406	20.2353	24.7291	24.1337	20.474
TANC1	1.91895	1.72068	1.91052	1.60271	1.87364
LMNA	72.3601	99.4373	80.9241	68.7984	88.4772
GLT8D1	14.57	15.5914	16.4566	13.3922	17.3489
VAMP2	31.5037	35.3098	27.482	29.5533	34.1859
C3orf33	3.94038	4.5328	3.62919	3.59397	4.99736
BCL2L15	0.0315647	0.0675299	0.0579476	0.0302989	0.070379
DNAJC25,DNAJC25-GNG10,GNC	77.0355	101.239	110.23	80.2029	96.327
PARD3B	0.372904	0.441323	0.32305	0.329439	0.469139
C1orf159	15.8138	14.025	13.8786	15.4379	13.1039
TBCE	4.74723	5.09525	5.28388	4.11791	5.11036
CCNB3	0.530963	0.301948	0.630044	0.600995	0.33868
ASAP1	14.4075	13.8598	12.1408	11.2459	14.83
GPBP1	14.6589	14.8669	13.209	12.5291	15.2442
TSEN54	33.8027	29.8581	32.1073	31.2651	29.8373
ZNF737	0.613259	0.920071	0.596744	0.444817	1.13659
PIGK	2.76647	3.25797	3.22794	2.70253	3.09675
MCM4	41.0272	40.3457	36.0714	39.6734	40.7017
RASSF1	19.1971	17.4968	23.3901	20.5122	14.0079
MYEOV2	203.027	247.381	221.513	199.299	221.096
CWF19L1	10.9655	11.2601	12.3198	10.8797	10.6453
PIGS	19.1409	19.71	17.9942	17.8272	19.9628
LOC100335030	0.238428	0.263038	0.288349	0.272645	0.174727
PCGF5	9.29251	13.2379	10.4983	9.1777	12.0979
ENOSF1	15.8787	15.6078	14.3802	15.9749	14.8463
TRIM33	3.20849	2.68526	3.16458	2.86984	2.53347
POLR2C	48.0237	51.4595	48.4989	41.3267	51.084
MIIP	32.8908	31.4606	40.5873	33.579	27.4481
SEC23A	5.44493	3.3955	4.21442	3.92316	4.2974
BUB1	17.302	13.7285	16.7023	15.4897	12.8495
PSMB3	324.957	288.243	300.423	292.051	281.358
ZNF544	4.07383	4.18392	4.77514	3.71837	3.9689
MED18	10.9503	11.0406	13.6585	10.572	10.7831
TTN	0.014233	0.0177551	0.0171846	0.0131669	0.0138884
ATP6AP1	67.1723	70.0426	63.9936	60.338	65.5712
PPM1D	1.70528	1.99329	2.38107	1.66375	2.20732
COMMD6	52.7033	87.6085	62.7605	52.7533	75.3169
C2orf88	0.663386	1.1299	1.0764	0.703061	1.15497
STRN4	49.7363	45.4991	49.7768	49.2025	43.9291
G2E3	0.954685	1.21542	0.993552	0.864888	1.19705
ARHGAP21	5.03964	4.77096	4.9	4.57939	5.2097
INCA1	0.551482	0.674908	0.614978	0.703657	0.649402
CENPP	1.89423	2.02413	1.66497	1.6466	1.79603
NDFIP2	5.76348	6.64975	6.78078	5.5086	6.74657
ZNF317	10.0738	10.2917	9.86084	9.65554	9.78986
IMMP2L	12.507	14.1742	11.6089	11.164	13.4054
SMAP2	18.4922	16.5074	13.0672	13.548	19.5777
GALK2	9.76543	9.97477	9.49719	8.04954	10.7929
UBN1	5.46692	4.63933	5.79126	5.24593	4.42089
NDNL2	16.5793	17.2645	17.6221	16.3383	16.9161
FAM168A	1.74101	1.54008	1.4225	1.48866	1.34966
FKBP8	305.204	298.586	270.559	271.102	289.654
ATF1	6.01717	7.10115	6.57084	5.65774	6.89315
METTL22	5.86875	7.90479	6.35958	5.69468	7.16646
CPVL	12.5426	13.3412	14.0852	12.4459	12.4353
ZNF383	2.06186	2.59094	1.5966	1.88872	2.24923
GOLGA8I	0.110653	0.0557833	0.0335033	0.0454842	0.121187
CTBP1-AS1	3.18399	3.56557	4.14015	3.33401	3.56742
PKD2	16.9583	20.87	18.6512	17.4101	19.4779
NCR3LG1	0.291785	0.184118	0.264363	0.260328	0.195491
SEPT11	14.4208	15.4104	13.4435	13.1026	15.6616
CASK	1.4636	1.43543	1.50104	1.33722	1.52978
KPTN	4.14634	4.60954	3.328	4.28211	3.94269

ZNF445	1.34302	1.31293	1.05073	1.28056	1.1904
CNTF,ZFP91	6.75783	6.56857	6.902	6.07613	7.04459
BTN3A2	8.36306	8.49877	5.98617	6.98583	8.1488
RASA1	3.6312	2.52443	3.5657	3.09107	2.99324
CSTF1	11.9932	12.878	13.6809	10.8934	13.1742
DCAF15	32.8621	26.7637	29.0343	30.6076	23.7084
CFD	24.0718	20.949	27.1127	22.4901	20.2839
C12orf44	51.1001	55.7401	78.9245	53.9777	50.4352
CSTB	266.924	294.934	248.894	228.787	279.453
IL16	0.0474444	0.0495751	0.00488711	0.013149	0.0561189
UGP2	16.8917	15.2274	15.1112	14.2524	16.6156
MDH1	96.8349	99.3335	97.6511	87.8227	101.116
WFS1	13.7613	15.8516	11.5992	13.4267	14.9118
CDC42EP1	105.629	91.1179	142.08	112.562	82.2824
HDAC11	10.1513	9.11096	10.7546	10.4187	8.88918
C5orf54	1.46823	1.02647	1.80796	1.69487	0.980282
MRP63	27.1533	25.6212	31.658	25.6258	26.1545
KDELR3	12.1138	19.8081	12.0561	11.6208	19.4038
FZD7	3.61747	4.78589	3.45414	3.43836	4.70645
RGP1	1.70215	1.24098	1.68856	2.01172	1.16468
POLR1D	240.382	239.498	273.251	233.193	209.802
NUP54	13.3756	12.7051	15.0408	13.4474	13.4242
PLCB3	25.8815	23.3424	21.9373	22.1086	24.2373
MAPK1IP1L	10.7102	10.7985	10.263	9.27746	11.0633
C7orf55,C7orf55-LUC7L2,LUC7L2	45.1219	43.4714	46.5569	39.9404	44.5687
NGEF	13.8958	13.6198	13.6906	13.6888	13.5374
NBPF14	2.85733	3.1973	2.90679	2.86838	3.34138
TRIM8	35.0152	32.6559	38.8287	32.7443	33.6912
TIGD1	1.46552	2.52682	1.91348	1.91698	2.10285
RBMS2	8.35122	8.51711	7.65634	7.47336	8.32443
ZNF687	7.04811	8.30996	7.87201	7.19426	8.52022
ZFH3	1.27179	1.05426	1.07991	1.1032	0.994878
SPCS3	13.5372	16.0963	15.8221	13.0227	16.7768
ISY1,ISY1-RAB43,RAB43	21.5078	21.007	20.5065	19.6875	20.0649
GBP3	1.96671	1.33906	2.00463	1.92257	1.39368
FANCA	8.19436	7.09087	7.3251	8.67006	6.85126
FRS2	1.83326	2.14774	2.02721	1.78891	2.32436
KIAA2026	0.628261	0.67517	0.628003	0.64741	0.678685
TTYH3	23.2897	22.9584	19.6035	20.502	23.3822
C17orf51	2.05492	2.83929	3.76535	2.6743	2.84003
SYPL2	0.0168752	0	0.0104551	0	0.0109912
SIVA1	141.731	155.258	150.177	132.946	150.369
NAGLU	21.0175	20.6871	18.9418	18.1401	20.4466
OXR1	11.2927	8.96155	10.2874	9.38857	9.73037
E2F3	4.12331	3.20066	4.83067	4.03467	3.18329
LOC654433	2.36545	4.47565	3.44517	3.05778	3.83916
FBXW4P1	0.329555	0.261952	0.273384	0.275883	0.312957
MTERFD3	3.07056	4.16579	3.83704	3.61033	3.53723
MRPS6,SLC5A3	58.9825	67.8957	59.3602	56.0025	64.042
WWTR1	2.38878	2.36718	1.88115	1.78796	2.48799
CASC3	26.7445	25.8184	26.5223	24.6814	25.0026
SASH1	1.16565	1.24104	1.13411	1.1534	1.03094
STX3	13.0419	14.0984	13.2918	11.5074	13.0883
LRPAP1	14.4448	16.6803	16.2585	13.6562	16.3046
DNM2	42.489	41.273	43.6103	41.1227	38.5953
C11orf54	4.7453	3.6956	5.20106	4.20125	4.17148
RNF135	5.97029	6.90428	7.37611	5.86537	7.42052
SCAF4	9.85024	7.23724	10.2145	9.75533	6.98184
CALU	27.1517	27.6714	29.386	24.9427	29.1608
SEC13	74.1124	77.7307	69.5236	69.3515	70.2254
TMEM87A	8.70831	10.998	9.83631	8.28466	11.3269
MAPKAPK2	31.1433	34.7727	33.1119	29.5396	32.8612
LOC100130275	2.07291	2.39987	2.75869	2.46868	2.68959
ESPNL	0.0868909	0.037701	0.091502	0.0644883	0.0918744
DOK4	13.4315	15.9476	12.5427	12.4264	14.8232
TMEM180	6.11899	4.52748	6.39606	5.92116	4.64448
RAPGEF1	18.1983	18.0256	18.6381	18.0622	16.4736
PPP2R4	168.467	179.486	159.369	149.971	174.387
COQ10A	12.5129	15.5748	11.7317	11.8917	13.3092
PIK3R2	29.7201	30.1703	25.6996	26.2911	30.3494
SP4	0.691444	0.553079	0.677436	0.671275	0.531416
TACO1	16.6793	17.2754	16.8896	15.8375	16.0032
CUX1	24.8712	31.7204	24.0572	23.3641	30.836
SYTL4	1.03507	0.934753	0.791326	0.992877	0.979778
ZMAT3	2.71167	4.03849	2.57243	2.32015	4.01205
VKORC1	345.79	373.93	366.944	297.817	373.279
FAT2	0.0183024	0.0230099	0.0143281	0.0277301	0.0106318
LPIN1	9.58258	7.78428	7.67582	8.73522	7.8922
F8A1	6.88654	6.62064	7.85009	6.60901	7.98438

ZP3	12.4735	13.4089	12.1504	10.1783	13.0949
NDST2	5.96653	5.98295	7.11299	5.9525	6.23754
LOC150776	10.8251	9.8966	8.35866	9.49921	10.7794
IPO8	8.21483	7.33074	7.6128	7.86889	7.50591
SLC25A29	42.3064	47.6711	45.0322	42.4481	43.508
SRRM2	47.6227	42.6191	38.0394	41.5734	43.3894
LSM10	52.179	65.8144	62.4033	50.4796	60.8368
IL18BP	1.04825	1.38794	0.990052	1.07471	1.16915
MLL2	2.16577	2.17094	1.8903	2.24155	1.96776
CNIH4	115.81	136.222	139.385	111.974	130.396
CCDC6	10.1041	9.29306	10.6831	9.75896	8.68946
NDRG3	5.67058	6.98592	5.97251	5.68071	6.32926
HK1	78.945	85.1233	64.6844	63.9061	88.3735
RFC2	33.848	35.9986	30.2416	32.0326	36.668
UOCR11	77.2032	88.9017	74.4576	68.368	83.4927
PTEN	7.59311	7.77484	9.32112	7.44581	8.26155
PLEKHM2	35.0117	31.8222	35.0999	31.0171	31.0584
CEP135	2.04436	1.86181	1.30276	1.88743	1.78429
NDUFA13	560.945	592.398	579.186	520.371	537.587
CDYL	7.89291	6.66974	7.91383	7.3296	6.94681
ZNF230	0.911435	0.756798	0.82527	0.668703	0.872116
C11orf35	2.0811	2.03998	2.51411	2.42805	2.26916
DHFR	12.7874	12.3916	13.5145	13.1057	13.0366
HIC1	4.02066	4.3995	7.2455	5.11042	3.88784
UIMC1	10.8938	11.3576	11.5452	10.5145	10.5544
GALNT10	2.00433	2.21846	1.87377	2.07295	1.88437
PARD6G	2.45279	2.85023	2.59014	2.19272	2.96712
DYRK1A	5.3491	5.33429	5.30828	5.30967	5.21736
IRX2	8.63355	6.48038	8.53952	7.95472	5.60627
DUSP19	0.493015	0.413234	0.539789	0.420396	0.528238
NOD1	1.8212	2.04888	1.53674	1.87018	1.91263
C19orf25	30.5932	25.7637	42.436	31.0326	26.2199
LTBR	39.4516	41.124	39.2786	38.7186	32.8219
OSGIN1	28.8351	19.3602	15.9622	22.2482	19.2935
SF3B5	262.394	293.159	281.517	239.204	282.39
SRRM5	0.498222	0.635021	0.486703	0.378662	0.444103
INO80D	0.552151	0.478943	0.667161	0.51384	0.59548
ZNF771	11.7383	9.0341	16.539	13.0805	9.26731
USP4	3.80395	4.22117	3.10644	3.43301	3.77424
SLC27A1	5.99294	7.47447	4.99389	5.55269	6.99142
WLS	34.8748	41.296	36.0204	33.6934	38.6138
WWP2	12.2851	10.7725	11.6495	11.8087	9.75031
NBR1	23.1703	21.3165	22.0169	19.1168	22.3946
WASF2	20.5504	19.2641	17.6998	18.2206	18.5977
RSRC2	29.2442	22.8777	19.223	23.0866	25.7941
CDC25C	5.71071	5.09709	6.88939	6.1055	4.54847
SUPT3H	3.92843	4.05761	4.34524	3.54882	4.25093
APAF1	1.85344	1.3153	1.56157	1.54365	1.60633
PRPF8	43.4449	41.2332	35.9674	39.2046	40.89
AURKB	104.714	86.3382	101.515	109.444	77.4321
MARCH2	13.5454	17.792	11.6144	11.9535	16.2552
DYM	9.44809	8.86893	10.5206	8.34005	9.56203
ZNF623	5.43395	4.25738	5.12035	4.89098	4.49307
WDR83OS	199.09	208.72	182.197	187.346	185.275
SHPK,TRPV1	4.83216	5.48885	4.24812	4.27479	5.53289
FUT4	2.91562	3.49013	3.44406	2.75558	3.42016
BOD1L1	1.07073	0.980447	0.510448	0.95383	0.982442
NBAS	8.05063	7.06952	7.54396	6.78866	7.62901
ARPC3	286.543	285.156	289.169	261.338	279.719
ANKS1A	4.92259	3.98995	4.36672	4.34108	4.3074
CHST15	9.4211	8.71993	8.88065	8.83341	8.91805
MYH14	6.40754	5.05758	5.22882	5.75068	5.09895
EIF1B	49.9452	52.0959	72.9995	53.3326	48.6793
ACO2	23.3673	25.0018	22.327	22.5222	24.2826
MTF2	6.20735	7.2266	5.11555	5.8554	7.12502
SELO	26.2496	26.1934	23.5677	23.4066	25.9991
DUSP4	0.436001	0.583878	0.551614	0.460345	0.605878
MC1R	2.45948	2.11766	2.45347	2.84896	2.14405
POP4	12.0672	13.4813	13.692	11.6725	13.4096
PLIN3	69.933	72.3343	73.3405	63.1777	75.7486
MDP1,NEED8,NEED8-MDP1	276.674	291.298	285.09	259.758	264.555
TUBGCP2	23.0357	23.9469	21.0595	20.4556	23.804
PBX2	31.44	32.4129	27.2898	26.8813	33.8128
AASDH	2.17851	2.71622	1.9577	2.01153	2.49686
ZNF428	11.7017	10.6128	13.691	11.0375	11.6435
GABBR1	5.88719	5.15302	3.53599	5.60804	5.33152
PCBP4	41.6758	45.2156	43.2421	37.3564	45.2319
LRRRC61	44.1156	43.6079	48.4092	44.8641	43.0087
CDKN1C	11.3446	13.0488	12.5441	11.4894	12.2528

RAPGEF6	1.06572	1.15787	1.07088	1.04121	1.12806
ZNF345	0.309117	0.487393	0.654316	0.478771	0.59517
NUDCD3	12.829	13.5409	12.7073	11.8423	13.6877
CYB561D1	2.97196	4.20592	3.70756	3.16746	3.70481
TRMT10B	3.14579	2.58596	2.81882	3.15769	2.21551
BCAN	3.28035	3.17958	3.08326	2.79684	3.21618
SMG5	17.2624	14.6734	20.8105	17.1682	14.4019
RALB	21.0814	20.3167	18.948	17.8065	20.8468
ZZEF1	1.95526	1.97547	1.88065	2.05603	1.61064
B4GALT1	8.46949	9.65684	9.2423	8.75577	9.5516
CNOT4	4.96793	3.43895	4.77131	4.46506	3.21436
GSE1	6.52002	5.33997	5.76828	5.92726	5.4617
OR2A7	0.750343	0.787488	0.74003	0.652373	0.960977
TGFBR1	5.9308	7.59165	6.12716	5.23779	7.47928
FAM211A	2.95014	2.7956	3.0153	2.91652	2.70532
RAB8A	27.5167	27.2123	28.6207	26.3145	26.1971
ZHX3	2.69706	2.41285	1.72389	2.12051	2.58964
FAM171A1	14.284	17.4005	14.6469	13.6535	16.2865
UBE2Q1	19.4235	21.9872	20.4325	18.4924	20.4075
MLXIPL	5.87964	6.64055	5.89764	6.86766	6.25231
SLC7A7	0.218999	0.255133	0.144214	0.215203	0.169615
TTC17	8.35277	7.71238	8.7887	7.6962	7.75718
NUTF2	255.525	275.41	247.571	223.234	269.16
RIMBP3C	0.0291336	0.0383889	0.0174613	0.0121392	0.0439389
ORMDL3	14.0445	19.8612	14.3498	13.3925	17.3632
MLLT1	28.7827	25.1371	30.5625	28.8105	24.858
ACOT1	2.82985	2.89714	3.49727	2.80722	2.80922
GTPBP1	16.0835	14.9453	13.0127	14.012	15.7311
HDHD3	29.1144	31.5323	32.9337	29.5166	29.5595
C9orf123	25.6371	31.9899	27.2486	22.3741	30.042
POLD4	27.219	27.871	26.592	25.7499	24.8516
PGPEP1	7.29471	7.07521	7.88026	6.7231	7.18297
COMTD1	52.6752	39.9643	60.3877	51.9437	41.3672
FBXO25	14.6705	14.4305	18.1576	14.595	14.7585
CALM3	82.9349	90.137	75.6012	77.5	86.5421
SOX4	10.1228	9.58717	7.77942	9.2319	9.14092
RPS19	4887.43	7968.65	5172.37	4640.36	6786.91
CC2D1B	5.03308	4.91916	4.80986	4.46841	4.97535
IER3IP1	36.6653	42.6245	41.4485	37.0873	39.1946
PPAP2A	8.55924	9.69905	10.8647	8.94232	9.51
FUCA2	39.8534	51.8112	40.4484	40.0821	47.05
PEBP1	165.621	200.677	158.65	148.155	199.712
HOXB9	24.2763	24.4964	23.8285	21.8161	24.3449
ATG13	10.557	11.8403	12.1597	11.2149	10.3592
SCD5	14.6497	14.6339	13.5348	13.3734	14.6105
MFI2	33.4904	40.7706	32.0521	33.3573	37.8376
TMEM51	5.15953	4.10607	5.71605	5.89915	3.65419
GTF2H5	3.80206	3.9959	3.62089	2.92996	4.23397
ANO9	0.135287	0.197838	0.0483607	0	0.295916
SLC35B1	39.208	48.1766	42.4637	40.8645	42.0806
ECHDC2	11.5012	10.1911	9.96482	10.9456	9.876
DBNDD2,SYS1	209.927	200.081	232.183	198.406	187.854
MARCH6	10.1911	9.98893	9.77135	9.28267	10.1941
RMI2	6.55698	5.72939	7.59612	7.07405	5.5341
PLXNC1	0.460042	0.615256	0.682921	0.5588	0.563889
DRAM2	18.7063	25.1814	21.4171	18.2674	23.4144
IKKB	12.5211	11.3204	13.5363	12.2974	11.0145
GNA11	6.14915	9.28319	7.94233	6.63176	8.38775
GEM	2.03881	1.95506	1.69186	1.74998	2.02002
APOOL	2.34079	2.5541	2.30615	2.20956	2.61923
PRKRA	21.083	23.5286	18.8821	17.0859	24.7217
CCNC	20.7806	23.5525	26.0648	20.6016	24.2412
SPRYD7	5.07488	5.1299	6.14272	4.97527	5.28844
DNAJB5	4.15755	4.89058	3.17132	3.33603	4.9634
ADIPOR2	9.88253	9.97192	11.5916	10.0342	9.54353
CDC45	17.4874	16.5422	16.3843	19.1727	15.9102
PIGG	5.96729	5.64483	5.68059	5.30324	5.69247
C11orf63	0.427715	0.518187	0.568981	0.592858	0.313103
TP1P2	0.15426	0.144549	0.191713	0.107236	0.134848
SRP72	19.5677	21.2095	20.5684	17.9141	21.0812
PAK1	21.4519	22.6039	19.7689	19.4803	22.2079
NEU1	83.3286	87.9483	76.1635	74.4146	79.3001
VTI1B	69.3114	72.8202	70.9306	64.4978	68.4232
RIN1	71.3898	52.5658	49.9592	60.0565	52.7281
COPS7B	24.1285	18.901	21.8432	22.453	18.5358
SNED1	0.465971	0.563642	0.407814	0.418083	0.600142
CEP85L	0.483801	0.579534	0.419818	0.336831	0.539781
ALDH3A2	7.99119	9.33869	7.26425	6.73634	10.0891
DHX8	6.1298	6.66735	7.01615	6.14742	6.37148

ZNF468	1.74593	2.42657	2.43083	1.92957	2.45432
SLC50A1	40.9556	40.9845	41.5285	37.694	42.5881
NAF1	8.22328	6.97928	9.57728	7.61176	7.30517
CDR2L	17.9443	15.9434	16.732	17.6587	14.8662
ARHGAP35	4.53599	4.06009	4.39368	4.22444	4.05837
LIMA1	4.53441	4.27616	4.02197	3.92383	4.55001
PDCL3	16.2772	19.2465	14.0352	15.5529	17.3854
GSTP1	944.006	1159.02	832.353	837.785	1077.9
CECR2	0.0498807	0.0498058	0.0332493	0.0526403	0.0348051
NSFL1C	20.7781	23.1083	20.1033	19.973	22.116
TBC1D26	0.162841	0.241644	0.108466	0.0982579	0.315955
MBOAT2	5.01761	4.73267	4.72267	4.2573	4.93327
UNC93B1	34.0561	33.7112	35.1415	32.7271	32.7089
JAK3	1.34975	1.78835	1.02701	1.198	1.72516
KRT18	190.272	219.473	238.81	203.712	202.95
NCSTN	23.2415	25.4557	22.2119	22.2513	23.028
NSUN5P1	10.9683	9.27151	7.66738	10.0362	8.34076
TRAPPC1	159.256	151.793	139.426	142.294	149.761
TAF8	4.57066	4.36417	5.17823	4.02415	4.39637
UCKL1	32.3557	35.6831	28.6431	30.2176	31.0537
OTUB1	66.6347	76.5831	54.5933	60.6043	71.8049
SF3A2	109.589	90.3363	122.895	111.663	78.7186
PTBP1	155.158	157.644	131.726	145.103	151.047
PTGDR2	1.25056	1.05381	0.922349	1.24139	0.854075
ARHGEF10L	5.82289	4.52519	5.98141	5.51898	4.37512
TOPBP1	7.65976	6.39262	6.6005	7.21632	6.5959
DEDD	20.1418	19.0858	21.578	19.1136	19.5926
ZNF410	14.7629	17.3111	17.6241	14.8914	15.3181
MEGF9	1.12621	1.09271	1.18079	1.13841	1.23351
EXOC4	18.5683	19.1423	17.0508	16.2869	19.4191
FLNB	10.8898	9.57131	9.63002	10.4505	9.36957
KIF4A	6.76849	5.49238	6.7821	6.49054	5.09073
CMC2	57.8255	44.6983	55.661	50.4225	45.2121
DDRK1	84.8229	86.5838	89.749	80.7249	82.5829
FOXI3	0.0484625	0.193076	0.115775	0.0806135	0.177617
ZFP36	15.5759	8.53699	19.1664	15.5812	8.52923
LOC100505865	0.145121	0.284091	0.0713937	0.238871	0.189604
SMAD7	2.86213	4.88308	2.19596	2.56859	4.59444
RIOK3	12.4103	10.5738	9.72025	9.7691	11.3007
HMGCR	5.79572	4.34458	5.80248	4.85759	4.7448
GLIS2	16.799	10.2883	14.0954	14.7127	9.84973
KLHDC8B	6.8676	10.3669	7.66464	6.3535	9.39527
ADPGK	16.6549	20.0697	18.5678	17.1626	18.5038
GTF2A2	25.1448	26.4723	28.5321	24.2849	26.2473
HOTAIRM1	14.1205	16.4829	15.8803	14.5541	17.047
UBC	501.509	536.66	545.055	443.316	532.784
KIF1C	20.5196	23.1915	19.3349	18.1089	22.719
FBXW7	3.40247	2.92855	2.99798	3.15236	3.24362
TONSL	29.0447	27.3404	23.3788	28.8175	26.2331
MXD3	29.1047	33.7394	31.0892	29.298	30.5601
NSA2	138.944	170.968	150.017	135.974	147.564
TIMM10	53.6905	53.4501	63.303	50.7901	47.4413
POM121	11.6322	12.4369	11.3387	10.8541	12.1448
MPDU1	52.4691	65.3736	46.1949	47.1558	60.4782
C1orf35	33.6712	33.8447	30.811	34.512	30.5569
ITGB1BP1	27.4063	30.2551	27.4415	24.0634	29.8748
GATSL3	4.81255	4.18833	3.79926	4.90418	3.64654
FIZ1	7.72348	5.82754	6.32561	6.34224	6.02353
HSBP1	53.5638	61.1563	54.2746	49.6173	59.9794
KIAA1549	1.52381	1.1536	1.40495	1.4318	1.14958
TMEM126B	33.3324	37.0865	41.2223	34.4922	33.5945
TEAD4	50.5252	40.9321	48.5044	45.8851	38.5229
SEZ6L2	25.2943	32.8691	24.1054	23.5318	30.979
MRPS31P5	1.87585	2.63045	1.72101	1.76092	2.28331
FAM57A	25.9931	29.8735	26.1881	24.2686	30.7008
ZNF506	2.31903	2.01033	2.43905	2.13269	2.30752
GDF11	4.81993	4.87223	4.46823	4.2172	4.82976
MORC3	3.87125	3.28122	3.42	2.97203	3.84174
SCAI	1.3031	1.20497	1.05061	1.04523	1.30421
TNRC6A	1.57163	1.52048	1.39618	1.45015	1.55427
COTL1	240.531	283.547	220.811	216.635	271.714
C16orf59	9.61462	7.46073	10.7378	10.7696	7.15345
ABCC2	0.140298	0.121326	0.185097	0.142605	0.149721
TANGO2	10.0772	12.0196	10.6339	10.6702	10.8749
HAGHL	87.7146	87.952	94.9912	80.1048	91.9232
UBIAD1	6.67138	10.8238	9.95288	6.74624	10.4041
RPL23A	2222.6	2964.89	2412.43	2123.49	2640.86
ZMYM6	1.9232	1.90797	1.64704	1.58336	2.09767
MT1DP	8.96032	8.23844	3.57351	5.92925	9.07737

GINS1	7.33038	7.43801	7.70352	7.64324	7.56246
PARVA	3.61459	4.86756	3.69432	3.48614	4.67393
LRRC37BP1	4.17331	4.67123	4.56593	3.86421	4.98944
ACVR1B	7.11241	6.80883	6.64554	7.03886	6.71685
TRMT112	458.39	483.682	401.868	427.471	432.28
RPL36	4813.74	7547.91	5043.12	4590.33	6143.02
EXOC5	3.96949	3.03183	3.33229	3.57213	3.56172
LMF2	52.0813	63.4094	47.9511	51.3109	58.8666
FANCI	7.96482	6.44935	7.01047	8.11335	6.06274
HMBS	23.8268	25.6316	24.5264	23.632	23.9099
ACTR1B	84.6777	99.0969	72.8983	69.2379	100.763
RBX1	64.627	67.1416	68.1674	61.5042	68.3845
SKP2	8.8433	11.7177	5.62923	7.83597	11.6915
LOXL2	0.401398	0.311087	0.565679	0.369066	0.357532
NDUFA1	288.247	293.885	261.525	268.125	257.745
TMEM44	15.075	16.8502	14.1925	12.8693	16.2641
GMPS	48.1399	44.7738	45.3813	44.9614	44.8824
DGKA	10.9847	11.9353	9.21058	9.80335	12.3346
JAK1	14.1316	15.9971	14.8101	13.2976	16.4641
DPH1_OVCA2	100.893	110.13	113.544	98.3754	101.16
TBCC	16.0304	22.0523	19.0037	18.0036	20.1436
MXRA7	42.8276	61.166	45.3276	39.7271	61.3779
NRTN	8.89174	9.28483	9.76827	8.63195	9.36579
LSM4	145.994	149.69	147.246	139.582	141.408
MRPL23	112.346	112.432	115.244	102.535	107.554
XPO6	36.1978	33.566	31.1638	32.0161	34.9751
SIRT7	24.7801	21.2785	20.8698	21.3341	21.7527
STMN1	197.29	195.238	186.954	195.875	186.848
ANKH	3.91191	4.5189	4.20311	3.62082	4.77339
WAC	23.5501	20.8516	27.3962	22.5174	21.4207
PEX7	7.67874	8.23564	8.20556	7.85177	7.52885
AAGAB	11.457	12.617	13.0852	11.9343	11.7658
C11orf80_RCE1	24.0668	28.3947	23.6943	23.3193	25.8119
MYO1B	11.8165	10.6262	9.31583	9.31382	12.4756
SEC23IP	3.14053	2.6317	3.29189	2.80451	2.90174
CDKAL1	3.17862	3.08376	2.46321	2.55854	2.9196
FDX1L	26.7434	32.5616	29.701	24.7042	28.7421
HN1L	19.5406	18.6063	22.1696	20.0086	17.798
TRIM52	1.45791	2.06219	1.88486	1.98753	1.6593
EIF1AD	12.5723	12.0156	10.4404	10.5622	12.1839
CAPN12	18.1553	15.8923	14.6668	16.3056	15.2868
CELSR1	0.0483129	0.0416351	0.0580682	0.0577447	0.0424399
TNFRSF12A	514.383	459.65	624.041	508.786	447.443
AP5M1	4.13487	3.31112	5.18912	4.16112	3.70755
GNB3	2.81305	2.53481	1.52807	2.78751	2.12279
CCHCR1	12.6361	10.7017	8.24446	10.2305	11.8189
STX10	90.0992	96.928	91.4182	86.6933	85.4562
RPAIN	38.8563	35.5996	46.6921	37.4095	33.4026
CBX2	7.62488	9.28138	6.56456	7.63589	9.28376
ARID3B	5.11323	3.37443	4.02159	4.69041	3.21259
DLGAP5	7.91567	7.52597	7.84966	7.61117	7.36105
MARC2	5.30029	5.74639	4.12272	5.10008	4.96423
CXXC1	21.9273	22.8369	21.4016	22.6883	20.0678
KDELRL1	269.126	305.647	275.668	250.785	299.093
PRR13	98.472	99.6629	81.4326	88.9986	95.2738
CBR1	49.6772	58.3314	38.7323	42.4241	57.5654
PNISR	8.52402	6.896	6.28658	7.83967	7.25068
MYO10	6.66733	6.70745	5.9991	5.92271	7.1842
TBC1D13	16.8415	21.9725	19.9726	18.7304	20.291
LRSAM1	18.4175	18.4228	14.784	15.3625	19.8013
DNAJB12	14.9736	16.3391	16.6882	15.7479	14.7532
DDX24	38.8381	39.3876	34.3254	34.8864	40.5262
YKT6	26.6734	34.362	31.8143	27.0111	31.2221
FBXO45	3.73327	3.56717	3.83392	3.31107	3.971
LRRK1	1.33666	1.30154	1.47629	1.48361	1.18978
LRRD1	0.0147311	0.0553614	0.028351	0.0122051	0.0427953
GTF3C4	4.26422	7.02822	4.96806	4.29271	6.64238
MRPL16	80.5581	65.0559	63.3733	72.3767	67.6389
ELK4	3.88536	4.20481	4.4883	3.67929	4.23927
CYFIP2	10.3978	10.6135	9.28073	9.3639	10.81
ZMAT5	29.0233	32.6939	34.6126	29.7472	31.3646
IQCC	1.35802	1.98315	1.39411	1.55057	2.04873
TMEM222	29.7244	36.3822	36.9619	29.873	31.3418
L2HGDH	3.41393	3.11246	2.95358	3.00899	3.3493
C8orf44_C8orf44-SGK3_SGK3	2.45087	2.27719	2.30818	2.00439	2.54959
ADI1	19.4178	22.9268	20.8295	19.4787	21.0402
SYVN1	15.0795	16.3011	16.9881	15.8153	14.7668
EFNA3	46.8421	40.4203	28.0568	35.6274	43.4102
THOC1	9.65235	7.57986	8.90149	8.27512	8.21965

GAS6	21.5706	29.051	23.6577	20.7569	28.4586
C19orf45	0.624886	0.981424	0.778885	0.987254	0.68673
AK4	16.2094	19.3684	14.2307	13.1472	21.0724
CREB3	29.8799	34.7382	29.9193	28.7664	32.7063
XAB2	37.1858	32.8837	32.7401	34.2446	30.4394
TAF4B	1.86281	1.55039	1.93103	1.42803	1.71364
ANAPC2	29.6601	30.1132	28.1827	27.9813	30.4798
SMC4	9.29168	6.96112	6.47033	8.93695	6.62201
VASP	62.8119	56.2676	64.1922	60.0358	56.0658
ENOX1	0	0.0271983	0.0120599	0	0.0378838
DCBLD2	2.58919	3.02813	2.9572	2.54962	3.15913
HES4	85.2448	71.3274	97.0069	92.066	63.7881
PRRG1	2.12806	1.55263	2.47013	1.96613	1.9062
RAP1GAP2	6.51633	5.50732	6.58555	6.3139	5.0424
STOML1	4.75504	3.11551	5.40427	4.89579	3.41716
CTSD	173.478	175.217	163.558	163.918	160.265
TRIM21	6.57469	6.54196	6.96369	6.27721	6.75267
TMPRSS5	0.57223	0.462892	0.316336	0.381946	0.688653
FKBP9	8.25736	11.1944	9.37942	8.22041	10.7262
E2F2	2.3443	3.21517	1.9561	2.33396	3.32741
FUT2	0.219053	0.277951	0.176089	0.254417	0.207247
SF3B2	98.0609	96.3809	75.2074	89.2947	89.7871
PLEKHF2	6.52201	7.48848	5.95604	5.66853	7.70754
ZNF823	2.03948	2.03009	1.62239	1.63692	2.18919
ECHS1	156.401	166.287	132.262	135.602	164.092
MBD6	14.9044	12.8887	14.0167	15.2753	11.8773
ASB6	36.5195	41.1492	39.2241	36.2703	37.4896
TACC3	39.0366	39.9285	40.3656	37.8435	38.6511
AKTIP	5.04712	5.88185	7.57394	5.91663	5.46494
SH3GLB2	159.408	141.874	146.293	147.051	133.95
MAP3K13	8.51788	9.39429	10.5131	8.82423	10.0674
RNF7	46.8895	53.8026	58.0008	42.3917	53.629
RBBP7	42.2149	37.6147	48.9884	41.9909	41.8981
DNAJC4	19.662	25.1629	19.0595	18.288	24.9102
KLHL18	3.81449	3.81031	5.05751	3.85654	3.51474
DDX11-AS1	0.665415	1.0195	0.984659	0.799108	0.891055
RNF214	4.72807	2.66732	4.10403	3.9142	2.90078
SLC25A23	35.6805	38.1292	33.206	32.5882	37.9049
SCARB1	58.8953	63.1889	51.6557	53.6196	59.417
COG4	10.485	11.0234	10.7306	10.4206	10.5451
KLHL11	0.480441	0.278192	0.448354	0.490229	0.303718
LPGAT1	4.50338	4.72741	5.29079	5.05617	4.33279
LTK	42.6798	45.9345	40.2872	37.7158	44.3411
IDS	9.93505	16.5453	9.13584	9.03943	14.779
CES3	6.82708	7.57305	4.54992	6.15948	6.90196
PLEKHG6	0.0608869	0	0	0	0.058759
PCYT2	15.1112	15.1531	13.1284	13.6295	14.0902
TLR3	0.0940752	0.181427	0.220031	0.108288	0.212871
SYNRG	3.2853	3.38039	2.81085	2.6631	3.03925
CDK5	34.6838	41.0755	32.7687	34.3565	37.1698
MAPK1	10.7014	9.00505	11.2199	10.0358	9.56828
TWSG1	7.62163	9.6855	7.89051	6.99744	9.95291
TTK	5.44532	5.20889	6.04389	5.68132	4.87691
ZFYVE28	6.71104	5.67699	4.42156	5.05364	6.06529
POFUT2	9.06548	10.1447	8.61634	8.83351	9.69941
ITFG2	3.52728	4.20932	3.57273	3.27904	3.54614
TMEM43	14.4982	16.9087	17.2311	13.5289	16.7613
MYADM	47.8475	44.2486	41.4966	40.5553	46.8759
LOC283922	0.470105	0.518661	0.573476	0.608446	0.552827
BCAS3	2.52601	2.90741	2.5145	2.26959	2.6612
PI4KB	18.4122	21.8241	18.0683	17.8042	20.6452
TFAP2C	0.219209	0.717555	0.247342	0.278949	0.61978
KCNH2	22.2369	20.1013	20.2904	20.606	20.226
PHC2	146.196	127.437	131.429	128.161	128.242
CCDC91	4.1177	4.38791	4.81862	3.9764	4.20686
QRSL1	4.55598	4.30944	5.29731	4.6096	4.02251
MATK	1.53228	1.52337	1.14394	0.737811	2.14607
DPP9	15.9788	14.8658	16.4049	15.6045	15.5096
GALNS	10.3921	6.82397	11.2079	9.97991	7.43581
NANS	121.826	119.718	127.441	113.847	114.138
PLLP	0.954488	1.94478	0.867105	0.733605	1.88702
TUBGCP6	6.4083	7.12709	4.99872	6.24082	6.77725
SDHA	64.5746	58.4638	54.9456	60.2505	59.4974
TTC28	0.484824	0.356061	0.478392	0.366386	0.462014
HRK	2.17806	2.69847	1.94991	1.88918	2.8063
SCNM1,TNFAIP8L2,TNFAIP8L2-5	9.73985	12.2274	11.2132	9.63368	10.122
OXSM	20.9629	17.5284	18.1041	17.0833	18.257
PDXDC2P	4.02702	3.2387	2.63346	4.07532	3.1921
DDX23	23.5157	23.6295	19.5052	22.1544	22.1194

HINT1	618.145	775.822	718.708	603.425	688.345
GCDH	29.7002	28.4045	27.345	27.615	28.1525
RP9P	8.2756	9.4697	9.19666	8.8246	7.86177
PPM1M	8.64321	10.7638	8.35437	8.72412	8.33871
ERBB2	16.9399	20.3477	15.5484	16.6238	19.5801
PACS1	19.3214	21.5967	19.1764	17.5721	21.9665
PSMD13	112.199	122.908	107.676	106.397	114.462
MTDH	27.2969	25.3903	29.224	25.522	25.7672
ADIRF,AGAP11	39.0189	78.4883	31.2734	36.3303	59.7189
MAP3K14	2.44118	3.60607	2.88184	2.42479	3.61369
ZNF576	6.07457	6.4137	5.55968	5.69349	5.68745
ACTG1P4	0.0665188	0.0558554	0.049492	0.0669596	0.0512195
ATP8B2	0.892279	0.901281	0.885034	0.804416	1.12641
NDUFA4	66.783	82.997	61.0362	59.3356	77.0454
ECE2	46.7124	41.6508	43.4194	37.2402	41.8254
PTPMT1	16.4377	19.974	16.1716	17.4477	16.0734
SLC6A6	4.26125	4.08572	3.37719	3.06329	4.90445
SIX5	13.0334	9.90006	15.4379	13.7995	9.94863
RTFDC1	47.0045	48.3812	48.9795	44.0842	47.2343
SEMA6B	21.7013	16.3215	17.7049	17.939	17.9307
NIF3L1	21.9335	17.7135	21.1078	20.1588	17.1156
WBP4	4.15351	4.14774	4.40576	3.94178	4.40148
PTRHD1	44.9788	61.3736	47.3709	42.4355	56.1823
SQSTM1	206.251	195.121	232.534	194.301	183.699
TRAIIP	6.8013	5.66787	6.2442	7.26124	5.72961
VEGFA	19.3232	19.1881	30.791	21.8227	17.6469
DHX37	11.9526	11.4793	13.5371	11.6211	10.3388
CDC14B	4.05404	3.81821	4.73166	4.07858	3.80142
ARFIP1	6.684	6.0978	6.11445	5.66135	7.03419
VMP1	67.5329	60.9502	72.6652	65.8051	60.4257
ZBTB18	2.61005	1.91911	2.29094	1.94386	2.5907
AKR1A1	124.867	136.217	133.873	118.442	125.838
APEX2	22.4825	21.5814	22.9159	20.3801	22.0683
COQ9	31.2251	32.9146	28.527	28.5941	32.4855
PTCH2	0.246658	0.247786	0.384723	0.494906	0.188337
DVL2	33.1723	29.5383	33.42	30.9987	28.5412
RPS18	10930.7	18215.9	11864	10579.8	15630.1
GCC1	4.73742	7.73336	6.8621	5.27965	6.6731
FRYL	1.23839	1.27678	1.27676	1.25269	1.23678
CCDC53	19.5628	19.7466	22.6351	18.1379	20.5438
SMG6	12.4461	12.1107	11.7003	12.1682	11.5725
EPOR	7.93359	7.28627	5.51862	7.30759	7.88077
HELQ	2.17853	2.06755	2.27852	2.04708	2.07175
GALNT18	35.7488	34.4059	32.0239	30.7157	35.0888
ANKLE2	13.5271	13.8845	14.1538	13.6693	13.179
DTL	7.20686	6.31057	6.40653	6.96868	6.72368
TCEAL3	17.5784	17.5313	14.3225	15.6198	18.5192
TMED10	24.5064	27.6982	24.8073	21.3781	29.9539
RPL30	5739.92	8614.51	6379.55	5552.38	7570.38
ZMYM6NB	27.088	39.1905	33.2443	27.5639	36.5496
SUMO3	32.4369	32.5521	31.706	30.2125	33.3926
ZNF578	1.82793	1.58108	1.57727	1.87623	1.38438
MKKS	9.99113	11.8553	15.4149	10.7962	11.5629
RPL32P3	2.22188	2.4067	2.19094	2.19061	2.18091
TINF2	16.9241	18.961	14.6877	14.5871	19.0842
MINPP1	7.15595	6.63143	7.03165	6.49312	6.37641
SLC25A36	16.9473	15.3055	14.5915	14.5691	16.2285
NT5C2	6.9237	6.13283	8.23861	7.24616	6.27317
ZNF800	2.72969	2.80203	3.23576	2.62058	3.17605
DOC2A	15.055	15.599	12.7348	14.8239	12.5031
CDIPT	51.4105	55.0527	53.5689	49.6991	49.0889
RAD51D,RFFL	15.3687	11.6814	14.354	13.9058	12.6581
SNIP1	3.475	4.48807	3.48351	2.95138	4.52611
YWHAZ	218.607	245.31	255.655	209.803	250.228
NUMB	11.2157	10.5631	11.1428	10.1791	10.8588
POGK	12.6608	14.4149	13.7316	11.6815	13.2255
ZNF408	9.13471	10.9632	11.5179	9.48142	10.5135
NUDT9	6.69402	7.73988	6.86298	6.35129	7.35195
SETMAR	4.11882	6.16955	5.16785	4.36833	5.83816
USP2	0.671623	0.667502	0.493914	0.634069	0.63919
MIF4GD	24.3325	26.5818	25.993	24.915	23.9895
ZNF833P	0.593061	0.638762	0.54436	0.583555	0.657678
C9orf174	0.417445	0.527897	0.416212	0.472932	0.412945
PAPOLA	24.7489	23.2125	25.2958	23.115	24.7034
THAP9-AS1	12.4932	14.1558	14.3871	12.4413	14.5892
BOLA3	89.1149	91.8743	69.4513	76.3168	87.1813
HAUS4	37.9527	47.1872	40.1605	35.2769	43.4546
LOC100286793	0.436368	0.834616	1.00937	0.856396	0.703546
SHC1	152.825	193.745	136.747	133.898	199.942

FBXL12	11.0281	13.7701	12.1593	10.5001	13.3661
HDAC4	0.50279	0.406929	0.527675	0.423557	0.410104
TMED4	35.2753	38.0595	39.7351	34.1585	39.6318
SRPK2	10.9789	9.09388	9.375	9.88134	9.38913
NOMO1	12.9361	15.8854	13.1009	12.5758	15.3861
LAMTOR3	4.73401	5.20066	5.50806	4.45191	5.58735
CNPY4	2.13275	2.01535	1.44619	1.90961	2.10099
DIABLO	43.8152	43.4291	42.4226	39.7452	44.8722
MTX1	52.5945	52.3044	41.9556	45.4371	51.1769
RPL18	3211.64	4471.91	3260.75	3059.56	3913.87
LGALS3BP	35.3752	49.062	35.0455	35.2235	45.3654
PAFAH1B1	14.253	14.2045	13.4337	12.4924	14.4501
NBEA	0.0037839	0	0.00238235	0	0.00258026
LOC100507118	6.30518	5.39023	6.8359	6.35886	5.64082
SP100	19.8822	18.9527	14.0039	15.6155	19.9488
PBX4	1.38201	1.83451	1.25979	1.12247	1.71952
SDF4	86.0289	92.2139	84.4487	83.2897	87.4199
RBBP6	6.07909	9.03757	7.14675	6.04986	9.0001
IFITM2	677.237	616.628	506.081	553.485	633.924
COA1	47.1172	46.0643	51.3102	43.0353	45.6067
COMMD8	10.6497	11.2093	9.61305	9.6868	11.094
FAM222B	6.55018	4.82114	5.56294	6.356	4.86656
EIF5A2	0.917472	1.42323	1.29057	1.14171	1.15329
FBXO10	2.79527	2.34626	2.90903	2.79154	2.30118
C1orf112	3.3451	2.86978	3.29858	3.28782	2.82267
SNX27	3.54032	3.38136	3.71688	3.50698	3.37183
TGFBR2	1.18617	1.22338	0.816786	1.02503	1.23781
ZDHC5	16.2608	16.3643	19.1571	16.0472	16.7058
RSRC1	4.00172	4.08538	3.28602	3.80649	3.67132
KDM5B	8.30248	6.03554	7.07845	7.31625	6.08954
C11orf75	14.4855	12.8109	14.2129	12.3277	13.0259
METRNL	62.5164	59.8713	60.8151	58.4194	57.9095
GINS2	26.1906	25.8348	24.1717	24.2381	26.7357
PPFIA4	0.070053	0.0953418	0.121095	0.0584852	0.146213
PHF3	6.99049	6.49213	4.69937	5.84084	6.97557
ZNF527	0.744484	1.20658	0.869202	0.733601	1.1654
AHCYL2	2.32798	2.50246	2.47356	2.05961	2.68112
SGOL1	3.57261	2.33472	3.60602	3.51647	2.05535
GSY2	0.0133175	0.0096864	0.016759	0.0110937	0.0273322
ZNF688	6.90165	5.79867	6.47712	7.76147	4.64155
MIA3	4.21717	4.3727	4.0032	4.00413	4.41302
LRRC41	32.5015	31.0237	33.1575	30.1483	31.4262
TRPC4AP	40.4542	40.0327	38.4852	34.892	40.2727
HES7	15.1332	9.97185	13.7798	14.3817	10.3374
TGFB111	59.0669	58.549	58.6125	52.5458	58.0666
FUT10	2.78721	3.11486	2.64408	2.4341	2.90604
MSH3	0.481966	0.418363	0.412801	0.349425	0.485432
ATG4A	1.96923	2.33905	1.9749	2.40291	2.0369
DGKD	5.46671	4.48175	4.24522	5.04735	4.46054
CHKB,CPT1B	18.9925	22.7966	13.8369	18.4676	21.5988
FAM53C	13.738	16.4555	15.0644	12.4005	17.4168
LOC728392	0.661692	0.808744	0.681231	0.892203	0.636521
PML	17.9569	12.348	14.7026	15.6119	12.0446
PTPRU	14.3255	13.5973	11.8416	13.0858	13.4493
HSPA13	5.31242	5.86817	8.02351	6.42892	4.96683
WDR33	12.3992	12.6188	11.2877	10.892	13.2574
HIAT1	13.0822	12.9499	12.5626	11.8174	13.5245
USP6NL	3.13669	2.57232	3.44253	2.93797	2.81366
LRCH1	3.05158	2.34334	3.05207	2.87468	2.52134
ACVR2B	1.50692	1.14206	1.52317	1.44583	1.13904
TMX1	18.0559	17.0037	18.7853	14.7234	19.5358
PHF10	22.2943	20.6725	19.5492	19.8482	22.5931
NUBP1	13.6672	17.1444	14.9657	14.4113	14.2525
FZD2	5.98825	6.35473	5.39676	5.85404	5.99265
LOC550112	6.24333	5.43654	7.43925	5.70009	5.76334
INO80B,WBP1	69.6972	79.6533	72.8594	67.3677	71.3887
XPR1	1.75067	2.00426	1.91152	1.80571	1.94464
SCAP	28.0796	26.541	27.1116	27.8415	24.6189
IRF3	62.7501	58.4317	65.8768	64.0535	55.2474
CCNDBP1	9.50752	11.4827	11.5718	9.52926	11.623
TIRAP	1.80259	1.99351	2.01546	1.82301	1.93826
PAFAH1B2	16.8128	19.6904	20.3214	17.2933	19.3029
DUSP3	24.5152	22.5192	21.6993	20.7272	22.738
VIMP	35.5808	36.3898	47.9428	35.4994	38.207
DMPK	12.8433	12.5848	13.9666	12.4384	12.2201
CERS2	73.6646	75.8167	83.2194	69.1369	75.2812
NHEJ1	7.31894	9.20343	7.90557	6.27418	9.41189
FGF8	0.897579	1.40299	0.97335	0.947365	1.23206
IP6K2	57.5434	65.6707	52.4482	51.8984	64.3768

PRSS3	50.0325	55.0928	54.656	44.0704	53.7353
TTC28-AS1	12.9654	12.3529	16.1217	12.8835	11.2747
TLK1	6.77888	6.46983	7.01214	6.47075	6.68969
MUT	5.70299	6.01666	5.98318	5.49651	6.1354
KBTBD4	6.67665	9.10799	6.43702	6.46212	8.79117
ATG5	7.71642	7.37911	9.15834	7.31033	8.13775
ZBTB6	3.39472	2.80254	3.11091	2.81511	3.01487
CAP1	76.5946	72.8756	78.6595	73.1075	73.4268
GSTK1	122.637	150.611	124.142	111.766	143.625
MFSD1	11.2903	11.4024	12.9141	11.0671	13.2934
SPHK1	220.02	231.083	216.515	198.155	218.195
PPP3CA	1.89162	2.19631	2.35654	1.95177	2.45649
UBE2V2	25.59	20.4742	20.9646	20.3031	22.2294
HIST3H2A	26.9357	29.1496	52.3221	36.1203	24.776
SNHG6	885.367	1328.49	950.409	924.986	1059.11
MOCS2	17.4901	15.4839	18.3779	15.4837	17.3304
COL27A1	5.30434	5.03838	3.91223	4.79331	4.8307
SH3BP5	6.56329	7.28583	6.43166	6.21217	7.26754
NR4A3	0.31738	0.312911	0.235371	0.325751	0.289219
DCTN5	5.98066	5.75837	6.80671	5.91929	5.9755
ARMCX5,ARMCX5-GPRASP2,GF	2.45234	3.60377	2.7437	2.3039	3.30378
KIF2C	32.8675	29.0561	36.7642	35.4856	26.1531
ATP2C1	15.3672	16.5064	14.2363	13.5666	17.594
DCBLD1	0.69639	0.588261	0.648821	0.564903	0.654876
NOTCH3	0.147348	0.218318	0.131387	0.165908	0.257645
ZBTB37	0.301339	0.216548	0.140537	0.183225	0.214598
PPP4R1	8.34644	8.71821	9.63693	8.08753	8.90702
TPPP	1.65635	1.88748	1.19342	1.72812	1.77033
AEBP2	2.00011	1.72097	1.8784	1.75225	1.91687
MIR600HG	1.1252	0.889976	1.04599	1.12829	1.02587
CWF19L2	2.05464	1.65382	1.75456	1.71067	1.77418
BNIP1	0.306282	0.102125	0.209813	0.182819	0.110912
INTS6	1.77221	1.74502	2.03678	1.76273	1.82115
AP5S1	4.95124	7.1884	4.77971	4.16905	7.13938
CBFA2T2	2.82538	2.33905	2.24184	2.22064	2.6872
PIN4	10.9581	12.4319	11.2392	10.6495	10.6141
PIGU	19.2986	15.5877	19.7853	17.853	16.6842
PHF15	3.09049	4.38549	3.49602	3.43684	3.6843
CHURC1,CHURC1-FNTB,FNTB	23.9999	25.3402	24.5606	22.4804	23.6677
FAM160A2	8.72416	11.2817	8.46208	8.19244	10.5073
ARID4B	1.55802	1.37727	1.30836	1.47448	1.37561
LSM14B	23.3552	22.5942	22.5697	20.27	22.9136
HDAC1	67.9777	66.9809	66.174	68.5399	62.4393
MIER1	5.94092	6.2661	6.35464	5.26626	6.82503
TTI2	5.54226	6.26143	6.14788	5.55559	5.88307
NAT14	1.32854	2.11534	1.87244	1.73064	1.28515
DLG5	4.66548	4.86348	4.89395	5.00008	4.52046
DDX19B	11.5692	11.6932	13.1789	12.8535	11.0942
DDHD1	1.7672	1.29918	1.40181	1.51296	1.50589
RNF24	3.49647	3.35368	2.64271	2.89857	3.84606
ATL2	12.7367	10.5714	11.9503	11.4948	11.548
CDC42SE2	5.02477	6.33463	5.67283	5.36785	6.1319
MTRNR2L2	44.7122	62.7149	43.6347	43.5646	53.8105
IQGAP1	8.62548	10.7285	8.46206	8.45429	10.5366
SEMA6C	2.4518	3.23138	2.27313	2.62914	3.26834
NUP205	17.6957	15.7433	17.4121	16.3502	16.3906
MARK4	13.8249	13.354	11.5089	12.7122	12.2891
PTRF	59.067	66.0677	58.9977	51.0793	68.266
PCNX	2.91752	2.73089	2.81852	2.61249	2.78266
UBL7	47.9474	55.597	52.4207	46.5419	50.4697
ATP5O	312.82	348.095	325.762	286.423	328.543
TRMT10A	0.534138	0.705825	0.564833	0.642316	0.500407
MSL2	5.23986	4.27457	5.51475	4.64314	4.49556
OARD1	12.171	11.4612	12.9556	11.684	11.7002
APBB1	15.8075	17.8969	14.5721	14.3419	16.6544
ANKRD19P	0.977831	0.828432	0.810024	0.883519	0.773002
TBX3	1.58803	2.33292	1.43861	1.63316	2.08572
EID1	21.7051	29.1191	27.0836	23.4986	28.0326
PRRC2B	23.2925	21.7136	19.8883	22.0918	20.3874
SLC38A5	165.202	201.153	159.015	133.852	202.524
MECOM	2.07462	2.28856	1.86844	2.05979	2.15625
ZNF322	3.14259	3.09877	4.08339	3.06692	3.12411
TNKS	4.36742	3.40493	3.68361	3.78644	3.70868
ZBTB8A	1.78744	1.58999	1.88486	1.79234	1.57814
ADRA2C	20.1395	16.1146	16.9048	16.4548	17.3471
SRP14	213.944	226.712	207.749	199.38	222.77
HCFC1	9.7567	10.0131	8.87557	10.1939	9.52545
JRK	8.36454	7.32076	8.60186	8.80938	6.65107
FAM133B	11.4542	14.5643	12.1553	10.484	14.6254

LRRFIP2	9.86401	9.01173	9.20624	9.28453	9.41995
ZNF142	3.13519	3.04341	2.92774	3.34323	2.95633
EIF2B4	28.8604	32.5051	29.5486	28.2738	31.0502
TMEM208	75.8747	80.5385	76.2589	73.5177	69.6285
PPP1R18	70.7345	47.1112	64.789	64.5511	47.751
GXYLT2	0.638793	0.869875	0.47605	0.674912	0.663642
GNPAT	17.4878	18.221	16.8439	15.0467	18.8842
SPOP	12.5732	10.8773	13.6381	11.5453	11.0829
NUMBL	10.884	14.1367	8.99124	9.53512	13.8428
CSRP2BP,PET117	16.0099	19.7122	17.5851	16.1455	17.2684
KAT6A	3.6744	3.81567	3.11703	3.47264	3.56734
LOC100132247	2.48494	2.22303	2.33049	2.32532	2.43281
SOGA1	0.407397	0.462153	0.586968	0.546922	0.347151
LOC100287177	25.5223	25.2953	22.3458	19.3896	24.66
ARHGEF1	50.9441	40.971	41.7458	45.1985	42.2069
SAMD8	3.90561	3.2092	3.50379	3.38218	3.3678
TTBK2	0.426889	0.373371	0.36804	0.380629	0.340838
EIF2B5	21.3536	19.8664	23.1382	20.6091	20.354
HGS	90.2642	77.4446	92.9756	87.6876	75.7994
CDC7	2.99527	2.43048	2.37281	2.98691	2.37686
ATF7IP2	2.3097	1.54983	1.47033	1.98295	1.64625
PEX6	6.90444	6.75848	7.8822	6.50743	7.28239
PLEKHM3	0.419965	0.345393	0.31591	0.298335	0.373079
SFI1	7.6387	8.10664	6.07925	6.63587	8.60622
IKBK2	12.4769	12.3263	12.9012	12.5447	11.767
COG7	6.54553	7.15832	5.14097	6.06891	6.96712
HNRNPL	199.794	189.087	173.386	181.928	192.264
ZNF213	8.00847	7.90882	9.68237	7.96474	8.30656
CEP44	2.33246	1.52445	2.36768	2.28482	1.46004
ZCCHC3	15.3823	14.279	14.7756	14.5924	12.9008
DOCK9	0.98578	0.936294	1.051	1.00302	0.992709
CENPT	18.6636	19.2814	16.6398	16.4825	19.9934
CAPRIN2	30.1283	23.7393	18.0849	24.1762	26.4578
MFF	26.6402	27.2389	29.4003	24.061	28.171
SMOX	17.5529	20.1272	20.4416	19.5368	18.2033
STX4	53.6652	56.083	41.858	47.0185	53.0063
DKFZP434I0714	0.597346	0.874347	1.07694	0.809508	0.65072
ARL8B	20.5122	19.4818	22.8744	19.194	20.3534
DYNLL1	319.382	280.324	321.441	287.387	264.273
NPIP	49.0208	55.2391	45.3057	50.4161	50.1672
ATG3	33.5665	29.028	35.2809	32.759	28.5422
C5orf15	11.8738	11.3462	11.2288	11.3068	11.7035
LOC338799	1.88718	4.21775	1.74042	2.6987	2.84069
DOCK6	14.9151	13.0054	11.1469	13.3862	12.4672
HIRIP3	11.6097	10.5949	8.79286	11.5747	9.8025
ZNF768	47.0257	46.5197	55.3531	46.3409	44.6537
GATAD2B	6.38013	5.71871	5.91457	5.8049	5.70817
TBXA2R	2.8175	3.29227	3.53972	3.13096	2.86419
MND1	41.4701	28.3647	39.2453	38.5971	28.2123
LSM6	27.1137	25.0117	24.9149	25.9066	23.7562
SRP54	10.5814	8.85502	10.0225	10.6169	9.22705
ABHD12	36.1116	44.7519	39.9229	38.2671	41.058
ANAPC1	6.33175	6.3466	6.92716	6.17654	6.32738
SRP68	43.7884	41.3295	40.8759	38.5619	42.2035
CDC73	5.48172	5.07792	5.05432	4.43274	5.72914
ERV3-1,ZNF117	0.868576	0.846259	0.857416	0.855543	0.681263
TGIF1	40.7111	30.0122	57.4375	43.7134	31.3014
ADPRHL2	35.3402	37.5955	36.7221	31.8356	40.6009
MBNL2	3.69374	3.57731	2.95337	2.9683	4.06913
CEACAM19	12.0924	9.02245	13.9734	11.4157	10.5118
INPP5F	5.09766	4.53346	5.45678	5.64537	4.58735
ANKMY2	5.99839	6.73802	5.99511	5.52242	7.34799
ARHGAP8,PRR5,PRR5-ARHGAP	30.649	26.2554	34.0121	29.8025	23.3247
KDEL2	51.4718	57.2164	56.5144	49.8558	56.8753
BCL7B	42.7966	41.0806	44.5601	39.5397	39.6114
RPE	6.24727	5.66663	6.81651	5.90057	6.4093
PCGF2	46.926	44.2977	43.4482	44.843	41.8309
TSPAN33	24.0196	29.0619	29.4166	26.304	25.1296
ATXN7L3B	13.6171	14.8777	17.2047	13.9556	15.0197
DLG3	7.44136	6.8667	7.6195	7.54511	6.86846
PLCB4	0.676004	0.51866	0.719267	0.644106	0.659218
ELL3	1.39196	1.94021	1.22599	1.19064	1.89652
JAG1	1.08952	1.73848	1.53659	1.06752	1.8868
FGFR1OP	9.29852	7.34846	5.99753	7.64552	7.70171
KRIT1	5.39072	4.12626	4.7153	4.92452	4.25965
SUN1	16.7773	16.7352	16.4029	15.2591	17.8345
PKIG	22.3769	29.1541	24.2275	22.6332	28.5855
MAGED1	21.433	24.4738	20.2923	19.6935	25.1633
GPR35	0.517226	0.263572	0.512329	0.523577	0.278473

GOLGA2	26.3515	22.394	21.7868	22.6599	23.349
CAPG	141.245	141.103	136.877	129.275	138.236
CCDC92	1.79176	2.15425	3.39331	2.06365	2.08172
MGC2752	11.3446	11.6815	11.3693	10.0992	11.0529
GNL1	13.8381	13.4175	13.7473	13.1458	13.1671
POLR2J4	0.852379	0.844716	0.805783	0.760379	0.871403
SARNP	46.5325	45.9469	42.1604	42.0872	44.8476
RPS5	4313.4	6326.95	4535.97	4036.46	5561.09
AUH	9.66475	6.72357	8.65814	8.0152	8.04919
GPR3	4.67026	6.6011	5.80543	5.34602	6.44792
INTS3	9.50617	9.20549	8.04805	9.42814	9.12392
EGFL7	233.011	176.743	207.47	204.673	183.265
DNPEP	47.1892	48.7817	45.5339	42.9785	47.2337
ASB16-AS1	4.67414	5.07591	5.27545	6.21994	3.95841
MBD3	66.7044	59.6594	69.5905	65.0394	58.3934
COPS4	22.9858	26.1531	24.4157	20.6706	25.6344
HNRNPUL1	60.6483	55.6503	63.1343	62.3473	54.2738
PQLC1	38.798	42.9637	40.213	36.2246	43.2407
SKAP2	4.11887	4.32564	4.02455	3.79026	4.5602
UBAC2	19.7821	17.3882	22.5199	18.0223	18.1115
AGO3	1.53115	1.41001	1.21627	1.3713	1.38139
SUPT20H	11.7517	9.95324	10.4317	10.5422	10.4368
UOCR8	53.6399	64.1345	50.307	50.5425	57.8297
CLSTN1	29.279	29.9524	28.0676	27.4536	31.0518
ZNF600	5.74748	5.08265	4.58475	5.21534	5.22352
TMEM54	147.269	156.978	127.886	128.01	151.991
USF1	20.5203	20.6977	21.2549	20.0084	20.5009
CHCHD4	15.2675	15.4416	17.9592	16.0501	13.8532
IFITM10	0.768604	0.806331	0.652862	0.751966	0.809429
CLPB	7.49238	7.77568	4.8631	5.58383	7.84532
CEP120	3.349	3.24187	3.40439	3.60755	2.80686
SLC29A3	5.25969	7.42089	7.31883	5.32678	7.663
CKAP2	13.5739	13.5354	15.3816	13.2822	13.3172
PIGT	63.2093	71.1337	59.4972	61.3022	68.0603
ARFIP2	9.92764	10.9424	9.43974	8.53738	11.5547
STIL	3.764	3.32507	4.15286	4.1986	2.93314
SYT5	0.0742889	0	0	0	0.0296161
ATP5L	126.954	169.652	138.332	119.669	154.897
TUBG2	15.5815	18.0155	12.0085	15.2049	16.5747
DBF4	6.56454	5.34492	7.171	6.32522	5.99041
TMEM158	29.4986	31.218	26.5551	26.1469	30.3087
STRN3	5.28664	4.11053	5.36395	5.21066	3.71929
FCHO2	1.93387	2.11254	1.6372	1.7739	2.00573
RNF146	7.0107	5.38339	8.40982	7.03607	5.72621
TMEM109	31.7827	30.9935	27.8624	29.267	30.3372
FAM201A	3.90828	4.015	4.30789	3.51357	5.16902
VPS13B	1.7717	1.63026	1.60721	1.64879	1.67262
RHOD	66.1891	68.4562	79.9278	62.4145	67.0966
IFNLR1	1.67679	1.60874	1.59798	1.67076	1.46344
POGZ	5.58345	5.08859	5.2631	5.51762	4.80654
FAM115A	10.3267	10.0641	7.17339	8.70148	10.5459
PTPRA,VPS16	31.2203	31.9545	30.7419	29.992	31.7698
ARRDC1	107.688	85.2524	102.782	101.172	87.0866
PSORS1C2	0.134792	0.278489	0	0.170597	0.170079
TLE1	7.37918	6.93509	6.69894	7.38615	7.01868
CEMP1	10.9257	9.86131	11.0313	12.2423	9.57169
SRR	0.732199	0.631031	0.778946	0.682026	0.6639
ACPL2	4.13466	4.30118	3.14801	3.42693	4.39203
THAP4	89.2182	90.7966	84.9887	84.049	84.1609
PPP2R1B	7.18374	6.02533	6.46938	6.57922	6.36204
MSX1	19.6462	22.4714	21.2771	19.6185	23.0978
EXOC7	29.956	31.2949	27.9128	28.3781	31.8384
SLC9A3R2	41.4474	43.013	36.4815	35.8035	42.7295
DAB2IP	6.78348	6.90133	6.1035	6.9889	6.18653
THAP1	5.27091	6.65555	6.12814	4.62665	6.35755
FOXD2	2.04524	1.90022	1.62852	2.15691	1.78172
HARS	35.4918	37.357	41.8469	39.5534	31.3179
MPV17	48.2525	41.4277	47.6615	46.0023	41.2512
UBN2	1.34545	1.10031	1.26356	1.26608	1.0868
ACRV1	0.0291358	0.0411331	0.179568	0.07762	0.0608656
RAB17	0.0339605	0.0911121	0.0205684	0.0283961	0.0834004
DDX11	13.2297	11.0965	12.2968	13.8611	10.8062
TELO2	28.5258	25.4226	28.7397	28.776	25.2294
IMPA1	9.29175	9.45179	9.4682	8.36876	9.61202
APLP2	77.3137	89.1032	72.4534	74.5223	83.7617
APC	1.13643	1.04661	0.862421	1.04451	1.07591
GAK	20.099	17.9004	21.2415	20.6609	17.4228
WASH7P	10.6208	10.1154	10.0509	10.8684	9.57905
WDR34	149.145	141.927	136.322	145.607	143.844

EIF4E2	40.8825	42.7636	39.6398	35.84	41.2336
CCDC22	23.962	20.1827	16.5784	19.6525	20.6719
ADIPOR1	48.2381	56.0157	48.0255	45.3955	53.1968
RPS21	6027.16	9511.6	6479.83	5853.8	8094.73
ZBTB24	2.38412	5.21248	2.69302	2.40565	4.79677
SIK1	15.8118	14.0806	10.8038	13.7332	13.1733
TMEM201	7.04618	10.4855	8.54738	7.84831	9.41211
METAP1D	1.04613	0.975001	1.10598	0.940581	0.836449
EFTUD1	18.7635	15.0134	14.526	15.0528	16.8176
TRAF3IP2	4.66279	4.48739	4.17318	3.73325	5.08951
MED11	23.5442	27.2036	20.4636	21.4363	25.1086
PHKG2	6.13302	8.77302	8.08012	7.15133	8.84649
EPB41L2	15.8926	14.2664	13.9852	14.9162	14.5523
MSANTD3,MSANTD3-TMEFF1,TI	78.7584	100.094	68.0971	70.8007	94.2285
ANKHD1,ANKHD1-EIF4EBP3,EIF	37.6184	26.5773	35.8149	37.1024	26.2609
TMEM243	14.2255	13.1137	18.7411	15.1153	13.6415
RB1CC1	6.55167	6.85008	5.50235	6.11105	6.94239
SLC39A11	5.00331	5.05018	4.83254	4.69527	5.57718
RNF44	11.0978	10.1913	9.64765	10.159	10.8782
RBM4B	8.70338	9.08308	10.5263	8.26932	9.03362
GNG7	1.56431	1.38539	1.5353	1.24325	1.25896
MCEE	4.5392	3.87581	4.4514	3.672	4.47359
CTRL	1.13484	1.41117	1.33207	0.967315	1.573
DGCR8	4.96515	6.9344	5.82504	5.66288	6.3775
AKAP13	1.86717	1.82226	1.44837	1.73204	1.75982
TLK2	4.26223	3.94727	4.5662	4.12571	3.56682
CTDP1	12.6059	11.439	11.3147	12.135	11.2411
ARHGAP5	2.88994	2.61495	2.44039	2.54119	2.79284
SART1	28.0532	24.6101	25.9731	27.1748	24.2098
MAPKBP1	3.08773	2.61705	2.56832	2.72878	3.06657
SLC4A1AP	8.47687	7.61866	7.38842	8.17318	7.58722
UBALD1	38.8625	40.5406	50.5038	40.2198	39.2662
ATP5J2,ATP5J2-PTCD1,PTCD1	755.737	745.739	711.452	686.6	733.132
TUBA1A	38.1025	49.5016	39.0176	34.6011	50.1971
CHDH	4.6507	4.39444	4.65114	4.44684	4.94735
NINJ1	58.5518	73.8215	57.1369	59.1427	67.2205
TIMM9	42.299	42.0696	53.4038	43.6998	35.7365
METTL2A	9.95963	10.12	10.1839	9.25333	9.72
CYB5RL	0.459268	0.489211	0.536766	0.610854	0.424319
Corf31	1.27331	0.73226	1.17007	1.12569	0.789744
LOC100134229	3.48067	4.07454	5.68457	4.18862	3.71548
FAM73B	17.5906	18.71	18.3258	17.6396	18.7852
AEN	19.7538	30.7767	28.898	21.2794	29.8677
PRC1	18.5732	17.1405	20.7058	19.0412	16.0888
CIZ1	110.116	120.651	112.866	111.77	111.925
RABAC1	127.03	143.109	139.464	119.06	141.628
RPAP1	8.89456	8.40772	7.08322	8.24608	8.02902
MED22	43.611	34.8622	47.8606	41.2381	35.0841
DDX41	49.8817	60.1949	34.0948	40.781	58.0838
SLC17A9	25.4553	27.2029	16.8561	21.8369	28.0706
NUDT3,RPS10,RPS10-NUDT3	4687.52	7792.21	5260.62	4681.41	6657.94
TCAIM	5.5672	7.11976	6.67102	6.0436	6.46228
BRMS1	41.2717	48.2431	49.2349	44.9537	39.6499
KIAA0930	11.2048	12.6536	11.246	10.4459	12.5262
DONSON	10.5708	11.3815	11.5086	11.8087	10.7436
RWDD2A	4.0471	4.97154	2.81215	3.86912	4.88615
RNF216	10.5627	9.62425	9.1596	9.50998	9.68023
BDP1	1.31871	0.999109	0.808544	1.07642	1.13691
LOC100130581	0.712978	0.739227	0.60896	0.677687	0.574763
RPL41	11894.5	15637	12807	11337.2	13748.8
TRIP10	45.8259	39.8687	41.5509	42.0215	36.6428
TGDS	6.69689	5.382	5.86551	5.58211	5.44128
PACSN2	15.6969	17.233	15.6868	14.283	17.1376
SCARNA9	6.8004	3.66631	4.97399	5.94828	3.44738
CCDC136	6.76461	6.61342	5.67841	5.80313	6.75201
GDI1	52.5727	59.3388	44.1365	48.1158	55.5261
PTPRN2	2.41788	2.42508	2.42512	2.31973	2.33258
PDE6A	0.00841784	0	0.0209262	0.0210074	0
FYN	6.74852	6.22241	7.95399	6.62586	7.19352
ERBB2IP	6.48573	5.58323	6.55026	5.70033	6.14346
ATP13A2	19.3732	22.2413	19.251	18.8234	20.8471
HABP4	16.3368	18.0152	14.91	16.5326	16.5585
EMC4	88.5984	99.4201	86.3142	84.0696	92.5733
TAP1	24.431	26.069	23.5097	21.6079	27.0603
MCM2	37.3822	37.0334	32.4621	39.1005	36.0738
MPPE1	8.08842	10.7949	7.87943	8.73286	9.42825
LOC100289495	0.190558	0.254022	0.271928	0.173458	0.295051
C9orf89	61.7803	75.801	55.0877	53.131	73.1726
RPL26	4982.4	7552.03	5466.17	4961.27	6455.83

SMCR8	1.75094	2.38333	2.20602	1.98766	1.96587
IGHMBP2	7.71246	6.05756	6.17663	6.82916	6.46821
POLH	1.88998	2.19943	1.99234	1.75946	1.984
PRKCA	1.30198	0.965076	0.862363	1.11175	0.994425
DNMT3B	1.87564	1.45672	1.55086	1.73863	1.44664
ANAPC4	5.94659	5.74682	5.87929	6.11832	5.17035
ZNF561	4.41377	4.64834	4.67351	3.86111	5.04586
TMEM223	15.404	16.148	16.7821	15.4649	16.3145
MAFG-AS1	5.738	6.18581	7.29755	7.06185	5.17343
SPICE1	1.63387	1.32877	0.982737	1.30902	1.42211
MNAT1	26.337	22.7581	21.2536	22.3519	25.6162
PITPNC1	6.14483	7.48806	6.1084	5.75282	7.23414
BRD2	31.7115	34.3918	35.5802	30.2033	35.5075
GALK1	54.694	52.8156	45.6836	47.1376	52.4528
CWC25	6.19872	5.97275	6.9069	6.12164	6.10624
FZD1	1.48798	2.23076	1.41962	1.7261	2.1326
LRRC57	3.28716	4.44769	3.57109	3.24211	4.36826
PFKP	99.5388	87.0264	82.5554	86.3395	90.094
CYP2R1	8.59574	11.8395	11.0481	8.58338	12.1285
ELP3	10.8759	9.69081	11.0819	9.90681	9.73489
WRN	1.86499	1.61874	1.77814	1.7091	1.71713
BID	29.9102	31.1546	31.4626	25.9774	31.8513
TRAFD1	9.28243	11.757	10.3013	9.42849	10.928
JOSD1	21.3758	21.085	22.4656	20.1509	22.8446
ZNF454	0.0106703	0.0599835	0.0396851	0.0176664	0.0141691
CCDC153	0.145667	0.188608	0.344531	0.159452	0
CISD2	5.74994	6.58035	7.19088	5.63352	6.52404
PHF12	4.70548	3.50187	4.29528	4.55212	3.85886
HIST1H2AG	3.04739	0.843722	1.82525	1.71834	1.60706
CDC34	133.49	116.558	135.643	124.188	115.91
DBR1	4.2815	4.93272	5.47158	4.26986	5.96091
CGREF1	19.4363	23.7178	19.4842	18.4018	22.3084
SRD5A3	4.35594	5.62451	4.16856	2.76145	6.90664
R3HCC1L	6.38021	5.71004	7.45718	6.62963	5.61836
KIAA2018	0.43891	0.621206	0.562939	0.479064	0.593399
MCRS1	32.2451	31.9785	32.2256	32.0868	28.6613
JOSD2	53.8623	46.2552	55.3266	48.0385	47.4429
MFSD6	1.49384	1.7207	2.14634	1.83743	1.66721
FAM178A	3.10119	3.93579	3.8455	3.27812	4.02211
USP24	3.75779	3.26751	3.30486	3.38475	3.51883
RNH1	116.962	97.5659	108.321	102.003	102.239
C2orf69	4.24306	4.10319	4.18441	4.21901	3.98333
FBL	544.013	600.176	503.953	490.197	575.335
DOPEY2	1.6414	1.40137	1.80045	1.60618	1.52253
SLC27A3	6.36507	9.87715	4.50736	5.98475	9.60856
PPP1CC	96.7501	90.5883	104.562	93.6398	91.8246
SSR1	8.96237	9.28281	9.3555	8.12943	9.9148
TMTCS3	1.05543	1.19487	0.922515	1.09532	1.03408
ZNF609	4.11952	3.64768	3.64225	3.97411	3.49023
LOC100129722	0.761368	0.981926	0.215974	0.975577	0.656225
CXorf40B	15.7448	17.9295	14.3012	13.6861	17.2807
SLC25A38	40.7065	47.3715	53.9012	44.4156	43.2847
SWT1	1.11633	0.945884	0.75554	0.759971	1.2094
FAM131C	26.0489	28.1058	24.4344	22.9313	28.2398
DTYMK	62.9372	66.6419	80.4089	71.992	59.4848
IL4I1,NUP62	25.4988	25.3666	24.1466	26.9495	23.0782
CHMP2B	17.8341	16.0796	17.8429	16.1803	17.611
EPC1	5.30158	5.79774	5.01321	4.2437	6.54189
UHRF1	20.624	17.1029	18.2012	21.249	17.8152
SEMA4D	8.00699	8.89919	7.12409	7.5477	9.05864
PDE2A	0.112005	0.139838	0.0483153	0.133447	0.0884327
C2orf68	3.69068	3.73714	4.69091	4.3653	3.40185
ARHGAP12	5.67364	6.25371	5.07465	5.09665	6.08056
UBE2D4	3.37442	3.43066	3.75069	3.35907	3.13791
LOC100287015	1.34352	1.67573	2.2083	1.62105	1.58326
TSR2	27.119	26.1021	26.2753	25.7009	27.3559
ABCD3	9.20155	9.95486	8.78018	8.47074	10.0188
TYW5	1.64188	1.5726	1.94979	1.8048	1.67543
DYNC1LI2	8.53382	8.37419	7.9403	7.74759	9.07973
EYA3	4.57769	4.46196	4.27578	4.4559	4.34419
MUL1	14.4053	20.9064	17.2632	14.6477	20.0837
PUF60	220.937	216.394	209.23	211.421	211.829
CHPT1	12.858	14.9161	14.8887	13.2873	14.3329
WDR81	10.703	10.6567	15.2105	13.3133	8.77861
GMIP	17.1754	18.2548	14.4415	16.3912	16.9045
MAPK9	10.0729	11.1508	10.8162	10.1284	10.6929
TRIM26	13.6244	16.0584	15.6843	15.0387	14.8318
DIAPH1	11.935	10.362	12.36	12.8936	10.2356
SLC6A13	0.314928	0.721109	0.617731	0.491326	0.608572

PCNXL2	1.14491	1.04019	1.24507	1.15795	0.99553
METTL18	4.20213	5.25287	4.70723	4.04144	5.23815
KCNK1	15.4016	12.7752	15.2294	14.9833	11.8184
ZNF787	82.8454	59.8866	88.3828	76.3238	60.6015
PCDHB7	0.479484	0.819282	0.442041	0.535413	0.704212
POC1A	15.9939	15.1316	19.6629	17.5998	13.0378
UVRAG	1.66313	1.44433	1.66619	1.60282	1.58696
KIF18A	1.99049	1.30052	1.78885	2.06331	1.4929
PPP1R7	62.1431	57.8625	58.8375	58.2608	56.7025
C7orf31	1.16695	1.46069	1.67631	1.122	1.34521
ATXN7	1.72393	1.54863	1.83192	1.55983	1.61205
FAM91A1	11.8836	9.41782	10.5465	10.2934	9.93399
C7orf10	0.223737	0.575463	0.362496	0.396889	0.393728
WSB2	20.5897	18.633	20.3424	20.2917	17.1076
CYB5R4	3.65452	3.55459	4.23694	3.54279	3.51536
SIL1	40.4536	43.2971	36.0068	35.9284	43.706
FBXO46	17.9914	12.1032	15.4126	16.272	12.7372
BLOC1S6	10.4295	10.8112	10.4134	9.27814	11.651
MTIF3	33.6444	28.9159	35.8456	32.3534	29.011
FASTK	47.837	50.2588	46.0399	47.1626	43.7145
SH3YL1	6.0572	6.1402	8.05772	6.43544	6.95268
RPS29	8594.84	12736.6	9652.73	8605.44	10302.3
EIF3H	546.017	571.709	607.58	522.054	561.91
CRLS1	15.3513	17.3492	17.2261	13.9476	17.9302
BDH2	6.47438	7.11325	5.47952	5.58469	7.41031
PPM1K	3.10244	1.94794	2.84863	2.71222	2.17919
A1BG	0.357662	0.349519	0.527499	0.347827	0.39114
RPL37A	9246.8	13826.6	9544.39	8975.72	11855.5
FAM3A	15.2676	15.3216	15.9639	13.7999	16.1203
TMEM64	6.53859	6.1323	6.56533	6.02931	6.09733
PILRA	0.57167	0.565158	0.590519	0.479925	0.460453
MAZ	139.559	120.802	138.613	133.012	117.741
LOC100132707	0.513269	0.969143	0.769083	0.636299	1.04688
TMEM50A	29.0845	33.1553	34.5744	28.4304	32.2098
GAREML	7.90171	7.16048	8.33864	8.35904	6.35054
CAPN1	93.2104	97.6961	85.9335	84.859	97.6882
RNF215	19.5816	20.0861	16.4811	17.2402	18.909
NR4A1	16.2997	10.9349	14.535	15.6841	9.29518
KIAA1468	2.54311	2.21344	2.06823	2.26881	2.1672
PLA2G16	70.1232	69.9653	69.7179	69.4448	62.9454
C8orf37	0.654977	0.709439	0.620274	0.757355	0.730069
YIF1B	24.7866	21.7808	22.8909	24.2718	20.3417
CBX8	16.7688	17.8643	12.2977	15.1915	16.7113
DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P11	0.463035	0.356223	0.483149	0.555518	0.325746
CLEC11A	240.208	243.762	212.93	200.315	280.3
RCOR3	4.10571	4.04992	3.63436	3.52106	4.40558
ABCF3	20.4498	22.3353	21.5031	21.344	21.3594
LINC00630	0.293016	0.339658	0.178865	0.304148	0.305439
HCST	2.01106	1.81295	2.41166	1.46703	1.69888
FGD1	12.0295	10.7587	10.6648	11.6909	10.6296
GZF1	2.50924	2.66655	2.31771	2.2978	2.64048
ZNF84	4.5089	4.06842	3.89565	4.17378	4.05707
TMEM245	6.18359	5.9693	5.99094	5.6391	6.727
AGO2	20.9153	16.1663	18.741	19.3529	15.6516
C11orf1	13.3278	20.9009	18.8839	14.8218	19.013
RNF114	29.2784	31.8587	33.791	27.7249	31.1259
PARP8	2.32435	2.16054	2.50809	2.11857	2.39466
DGCR6L	69.6247	91.8323	70.5575	68.419	84.5703
LOC645212	4.687	4.53264	5.08371	4.7842	4.37024
ORC2	3.51569	3.32091	3.22312	3.23118	3.47059
LRP12	3.71254	2.83523	3.60039	3.26824	3.01559
ZNF436	1.39275	1.89661	1.62381	1.56371	1.81438
EDC4	17.2452	16.3419	15.1781	17.0605	15.8041
ARHGDI3	300.429	259.858	266.258	290.978	248.89
YBEY	18.0328	21.8776	21.7338	17.7703	22.7439
DCAF11	16.4087	17.3616	18.4172	17.458	16.58
MAP1LC3B2	4.20395	2.65405	4.54001	4.50844	2.91054
FIGNL1	2.53379	2.24956	3.12939	2.71333	2.36318
ZNF8	2.98951	1.73078	2.41753	2.27246	2.34766
RAB11FIP3	15.4944	16.3499	15.601	14.7253	15.8341
GPR155	0.332516	0.389567	0.242748	0.228291	0.446048
PDRG1	24.1711	27.356	29.0154	23.5192	25.9414
SLC35A3	2.57358	2.46887	2.46113	2.24436	2.76824
H2AFZ	411.239	424.706	497.444	478.619	382.822
SDCBP	77.4928	83.2778	74.6661	64.7621	91.2045
PPP1R26	20.7851	14.6727	19.3578	19.6583	14.131
TMEM102	25.6807	25.0578	26.93	22.0379	28.0034
RPS16	4823.35	6729.25	5114.4	4572.44	5911.24
FSCN1	191.498	157.682	159.002	165.867	171.047

OAZ3	2.52393	3.9019	3.0995	2.70443	3.6618
SNRNP48	4.25172	4.34192	3.87088	4.4124	4.15586
KLHL23,PHOSPHO2,PHOSPHO2	6.82578	5.72889	7.86676	6.93689	6.01645
MAP2K1	50.2793	49.1499	42.1934	40.7216	53.0684
NXT1	29.9808	37.2924	38.0747	30.7968	37.3255
NHLH2	0.4013	0.673849	0.51099	0.512142	0.467404
MOB1B	1.55449	1.44573	1.64929	1.42297	1.39839
SLC9A5	5.94726	5.80716	4.21978	5.66195	5.52627
TMEM51-AS1	0.108019	0.0729297	0.147482	0.149294	0.091598
POLR2E	84.0004	84.4952	78.6263	79.7441	79.4729
TAF1A	4.36394	2.75364	3.6657	3.82402	2.76872
LRP10	44.0741	41.5784	41.4644	39.6409	43.4974
MRPS2	296.135	288.631	285.787	268.532	285.661
SDHAP1	1.1703	1.10678	0.983414	0.988259	1.33151
DXH32	13.3098	14.3974	13.1855	11.624	15.3893
THUMPD3	12.138	11.4718	11.5359	10.2118	13.445
HIC2	1.77975	1.85705	1.44531	1.5862	1.90575
ZNF675	1.97176	2.70243	1.45252	1.93109	2.63476
PCDHB14	2.21335	3.33512	2.95793	2.29189	3.08018
SAFB	39.5042	32.9404	38.9189	38.6048	33.3405
SP1	8.15275	8.19683	7.97416	8.3898	8.0999
TEKT4P2	9.42044	9.64803	9.44442	8.80606	8.85317
NOS3	8.99217	8.0518	8.02968	8.59044	8.25981
GATS	1.34435	1.95038	1.78437	1.58406	1.85045
MRPL37	179.685	193.374	183.027	175.068	183.391
TGOLN2	13.1903	16.3346	13.1202	13.4185	16.2293
RPLP2	6476.42	8454.07	6468.88	6117.57	7596.71
SDHC	34.1419	39.0152	35.552	31.841	40.2257
ZSCAN26	5.78619	5.05013	6.25808	5.62324	4.93609
NFX1	7.59685	5.69649	7.38385	6.81882	6.28328
APH1B	3.42525	3.94123	4.24273	3.81395	3.6217
RNMT	9.84301	9.05088	8.12252	8.30971	9.91931
LITAF	23.7206	29.7215	27.8475	23.0291	30.9625
SLC25A11	74.4101	74.6135	68.6845	71.4205	71.2599
ABCA7	2.43364	3.16867	1.59945	2.33037	2.83824
TBCB	83.3024	79.9617	83.0511	82.7532	78.7739
AKAP10	4.81929	3.7729	4.2186	4.20521	4.20521
YTHDC2	2.30378	2.10604	2.09144	2.1205	2.2522
APBP2	3.18157	2.62616	3.52556	2.85197	3.0103
EXOSC5	131.526	131.826	145.939	117.363	125.74
C2CD5	4.60962	3.92466	4.24397	4.24251	4.44372
CENPF	7.9146	6.81421	3.01321	7.88601	6.40912
UBE2L3	44.88	44.4311	44.4898	44.7185	43.2614
PIP5K1A	25.124	26.286	26.1519	24.2549	26.1278
SPSB1	17.7875	15.3003	15.7257	15.9226	16.1197
SLC25A51	2.97168	3.03889	3.14015	2.90284	2.87011
CTDNEP1	119.148	126.313	110.208	116.727	118.055
UBR3	2.25574	1.85055	1.71141	1.77264	2.16181
FMNL3	3.91712	3.56609	3.56359	3.84691	3.47401
TARBP2	22.4521	26.5264	22.5777	20.9091	25.4792
C19orf70	99.3834	118.035	100.925	93.3339	110.297
DNM1P41	0.199391	0.352817	0.32246	0.37014	0.226832
CAPZA2	41.2633	46.9117	45.2107	36.0305	49.8986
SLC25A27	2.12063	1.48413	1.07371	1.82726	1.36668
CTNBL1	22.6211	25.1438	25.5259	24.0727	22.319
PFKL	67.5043	71.9708	54.0304	56.5185	73.8015
BRPF3	4.09315	4.72236	4.20589	3.93253	4.55805
LIN37	9.4873	9.6405	10.3209	9.59164	9.39455
ZRANB2-AS1	0.0457013	0.0620356	0	0.0758188	0.0292451
MALSU1	60.7279	64.9062	56.1095	57.5907	62.7651
RPS8	4813.26	7606.12	5098.54	4798.2	6559.27
AFMID	18.3327	19.0303	18.5078	15.718	20.0412
CNOT1	16.8409	14.9791	17.0497	15.7619	15.7952
CEP85	5.7056	4.87553	6.06007	5.74235	5.02239
TM9SF1	16.4038	21.4583	17.0422	17.1276	19.4662
UBE2E3	47.1157	52.6258	45.721	42.667	50.9842
PPP2CB	41.3492	38.7822	40.5945	40.1017	37.6089
MCPH1	3.75561	3.27287	3.263	3.6271	3.29725
FAM13A	1.60831	1.65593	1.25796	1.31755	1.76659
TSPAN6	14.177	19.9221	15.8774	12.8013	20.0504
C22orf29,GNB1L	15.5598	12.9263	16.3351	14.7575	14.3484
PGAP1	0.878266	0.948272	0.86139	0.78007	1.13298
CDC37L1	6.968	5.89382	7.16179	5.99184	7.31894
BTBD9	1.54829	1.74896	1.25142	1.51007	1.61596
RBM5	24.0067	27.0313	22.8445	23.2085	26.4363
PILRB	55.7821	51.6218	42.5817	59.8124	45.4154
FER	0.960456	1.13728	0.771914	0.984436	0.973359
WDR91	2.17057	3.37045	1.89669	2.28825	2.78123
TMEM62	8.42688	7.95348	9.22603	7.87378	8.47195

LPIN2	5.34671	4.69137	3.85236	4.21457	5.51458
PKN3	84.4855	81.6128	84.3049	88.0884	76.8023
SETX	4.16778	4.27393	4.31085	3.92461	4.71083
HOXD-AS1	1.75923	2.33954	2.40591	1.94112	2.42955
RBBP8	4.22837	4.3547	5.69635	5.36055	4.1186
MBNL1	7.48724	6.11621	6.40702	6.92543	6.19342
RFX7	2.23738	1.8795	1.82362	1.843	2.04078
NMB	35.9259	35.0072	33.0372	29.77	37.5401
COL13A1	3.05	3.51358	2.43882	2.3403	3.53578
ZNF419	2.61885	2.17917	3.52085	2.80544	2.63779
MEF2B,MEF2BNB,MEF2BNB-ME	13.423	11.9239	15.3166	13.8877	11.4512
INTS9	11.254	11.2941	11.1283	11.348	10.8353
SCYL3	0.625385	0.989804	0.749713	0.693355	1.02273
TBKBP1	6.90995	6.74155	5.97153	6.80309	6.07304
ING3	5.82638	8.44409	7.65308	6.14643	8.93785
SHISA4	12.4314	12.5725	10.8904	11.0382	11.6614
CD81	330.656	327.091	327.115	322.265	306.796
ROCK2	1.26829	1.19596	1.03318	1.0761	1.36821
PDS5A	8.22292	7.27817	7.89277	7.93856	7.28877
MED8	15.8846	16.2683	24.1632	18.6607	16.6873
CEP57	11.1017	7.64385	12.0272	10.6459	9.00982
DNAJC28	0.175533	0.486429	0.159426	0.207496	0.325629
BSDC1	17.6519	18.4271	19.4486	17.6861	18.3071
ARID2	2.02718	1.647	1.99567	1.96441	1.66934
CCDC97	13.8855	15.402	18.6695	15.6885	14.2067
STK17B	3.11553	2.62575	2.76193	2.5352	2.82602
RPL10	1591.71	2245.47	1724.48	1578.73	1969.37
CBFB	17.1025	16.6414	17.8806	17.0436	17.1125
ASXL2	0.56449	0.452973	0.519814	0.49834	0.608525
RPL11	3818.85	5187.54	4023.91	3883.99	4469
FICD	0.451903	0.470707	0.874018	0.512122	0.54419
LOC100507463	0.917379	0.983359	1.29545	1.1375	0.767481
CXCL16	42.6964	48.5324	41.7881	43.0631	47.7674
ADA	23.5409	24.6643	20.3281	22.3	24.8653
TOP3B	8.63308	8.58631	7.77054	7.52177	9.55222
PRDM15	0.728573	0.684568	0.823111	0.884203	0.48321
VPS29	46.4292	46.8504	53.749	48.404	41.9449
GLTSCR2	687.909	904.813	735.428	681.458	820.741
KAT2A	41.4435	41.05	32.5738	36.0725	42.1359
SLC33A1	4.03461	3.58214	4.62136	4.01755	3.75826
RAB14	21.6078	22.9591	21.9065	19.9798	23.9619
METTL17	40.0913	37.2965	40.0145	41.0592	36.8414
HOXB6	7.17377	5.18618	6.43346	6.3859	4.852
GGA2	10.8918	9.8256	8.86927	9.15442	10.8846
HIST1H4B	1.41974	0.647311	1.33464	1.5822	1.19081
ZNF23	8.00775	7.10887	8.22671	7.33664	8.14453
RNGTT	3.40533	2.76659	3.08506	3.26738	2.78031
UST	2.89403	2.31743	2.89322	2.76578	2.44622
CCDC115	14.9233	18.0155	15.3993	14.5931	16.7734
RPL39	7249.57	11800.9	7440.39	6921.49	10108.5
RWDD1	33.8849	38.6404	40.0601	33.5676	38.1658
SYNC	27.6893	25.5547	28.7368	26.4936	25.0699
C14orf93	5.46254	6.44696	6.42448	5.30371	6.1155
WASH2P	9.24611	9.36056	10.6015	10.7586	8.78845
LOC100499227	0.883327	1.09101	1.30267	1.1489	1.00486
ZNF714	0.481857	0.467953	0.509327	0.446763	0.58385
MTRF1	3.18228	2.26768	2.96359	2.79005	2.70181
RNF4	18.1039	18.9124	16.9108	17.4914	19.181
TP53INP1	1.44695	2.60423	1.72072	1.4198	2.66093
DLEU1	6.9739	6.75797	7.33815	5.87963	7.2333
FAM120AOS	17.9496	19.7927	17.7505	16.5496	18.4875
SERF1A	0.0890524	0.14692	0.0734638	0.0985323	0.0989512
PSMB1	226.729	216.374	229.766	221.532	209.346
DLL1	7.13345	6.11983	6.68782	6.73275	6.99243
LINC00514	0.263673	0.343713	0.276234	0.273202	0.237762
TPRKB	43.0689	45.5232	50.3637	42.9425	41.5573
RGS19	25.8028	20.8371	24.5058	21.343	24.1356
ARPC4,ARPC4-TTLL3,TTLL3	121.24	116.522	117.28	116.001	110.035
TCEB1	57.6244	57.1458	62.2586	55.1095	56.7699
GANC	0.580483	0.465079	0.54575	0.476114	0.66922
LGALS8	7.68484	7.39259	7.57837	6.50794	8.12152
MARCH8	0.615918	0.776149	0.708185	0.384649	0.942639
UBXN6	146.58	144.179	153.524	131.195	149.345
CCDC85C	19.34	17.9288	18.197	18.0689	18.7351
BRK1	74.3534	96.118	83.6156	65.9911	96.7095
SEPT9	47.7522	47.2898	38.1986	44.1411	48.2618
ZDHC11	4.69938	3.20948	3.3669	4.12898	4.04965
NPB	1.16466	0.629608	0.969579	0.554186	0.195005
ZNF271	2.71315	3.62987	3.47289	3.00057	3.08804

TMEM104	1.74052	1.17433	2.81679	2.31336	1.20314
LARP7	9.35916	9.83579	6.81915	8.48607	9.90931
NAPEPLD	2.25089	2.00558	2.46538	2.21275	2.12449
FLJ46906	4.52	5.38508	5.16029	5.19475	4.5817
PQBP1	70.4385	74.6894	88.3248	70.968	66.9278
SPIN4	1.25021	1.77518	1.56282	1.54486	1.63213
RPL8	10708.4	13710.2	11089.2	10088.2	12499.7
ZNF138	4.21795	3.15128	2.52868	2.96832	3.56553
RIC8B	1.57492	1.57313	1.74059	1.60601	1.50651
UBE2I	82.3745	84.6441	79.2555	80.5556	81.3361
MCTP1	4.53301	4.1702	4.97655	4.41087	4.6392
PRDX2	606.39	655.017	480.987	560.513	608.731
TIMELESS	7.44285	7.06715	5.67666	7.49293	6.32785
SLC3A2	162.881	144.813	260.946	194.877	137.009
SKA2	18.4928	14.3912	18.924	18.2278	14.0402
SMG1	2.69998	2.13147	2.63868	2.47453	2.29926
BMPR2	0.803984	0.78926	0.699854	0.633966	0.964202
TCEB2	492.25	498.571	480.777	446.976	501.885
HOXC13	0.317676	0.0966672	0.515855	0.294217	0.178588
C12orf52	21.8538	25.3698	21.0956	20.1287	23.8818
LOC100130744	0.532355	0.594469	0.650612	0.578202	0.548707
RPLP1	9284.33	14631.1	9257.29	8867.29	12810.1
HTATIP2	34.6363	41.5355	34.6075	34.103	38.5895
ARMCX6	30.4326	36.8843	30.2209	28.874	33.7976
KIAA0196	12.0866	12.0132	12.0037	12.094	12.0426
ZNF462	1.12034	0.865636	1.01669	1.11058	0.902803
C6orf57	15.0103	15.8176	14.0427	10.0723	20.7238
IKBKAP	4.99552	4.79986	4.77432	4.7808	4.97521
GPN1	25.9467	35.132	24.6254	25.5546	32.8376
ARMCX3	9.28872	8.21358	8.78703	8.10454	9.16659
DGAT1	32.5399	36.3648	29.7938	32.7557	31.5098
NAPA	41.9175	44.4902	47.3836	49.0951	36.5832
DENND4B	13.2123	11.9402	9.90953	11.9726	12.8239
EIF2AK1	29.5252	30.5304	29.5507	26.8315	31.9968
TNIK	4.45388	8.68119	4.70016	4.69517	8.14872
RAB5B	10.856	10.6223	11.4067	10.7354	10.5592
CLOCK	0.761618	0.902548	0.712202	0.83108	0.833616
EIF4A3	81.6871	82.2225	67.8444	73.4148	83.6942
RALGAP1	0.955861	0.781114	0.985839	0.840565	0.954085
C14orf101	3.18565	3.64066	3.955	3.67906	3.21904
KIAA1524	2.65479	1.63761	2.40225	2.55394	1.66586
CROCCP2	22.1288	21.0408	21.0265	22.9868	19.8512
FCHSD2	4.60415	4.24359	4.20086	4.25674	4.31136
LOC100507217	29.8011	36.2418	39.7552	31.2905	34.131
FYCO1	3.19411	3.2246	2.3766	3.02908	3.04563
UBE2T	56.6659	44.5544	48.2692	54.2788	47.1545
COPRS	111.644	130.21	102.083	106.481	118.323
MED24	26.0046	24.1062	20.0825	23.0387	25.0217
FANCE	16.013	13.2931	14.8607	15.0244	12.8525
CHAF1A	14.571	12.4689	12.8292	15.6541	12.4196
ANLN	10.9842	9.69269	9.57171	9.93634	10.2319
MFSD11	3.32472	3.105	3.91869	3.51734	3.18452
MRPL54	65.0554	88.2933	63.5503	62.6387	72.8254
QTRTD1	5.17078	5.34245	6.1364	4.96468	5.47559
LRRRC48	0.318327	0.258519	0.214713	0.294232	0.290063
OXSRI	9.24288	8.35606	8.73673	7.82484	9.53306
PSAP	217.573	217.593	228.104	209.046	216.426
FAM200B	3.28439	4.00455	3.78754	3.70611	3.31254
CDC42	65.7929	82.7951	78.5092	64.3418	84.8796
M6PR	65.3992	70.5924	72.5486	65.8076	66.927
RACGAP1	15.1702	15.0153	16.6749	14.9858	14.1184
ZBTB80S	12.6134	14.5866	15.7965	14.6095	12.9911
SLC4A3	4.43386	4.36216	3.57405	4.42407	3.84709
RPL18A	4915.39	7121.47	5226.87	4720.02	6398.58
SIRT3	11.3761	14.3264	10.4696	10.7403	13.5335
ORMDL1	20.0375	20.2869	23.6895	21.1578	20.168
FDXR	42.6034	52.703	37.2063	39.1886	48.6264
CCL5	1.47045	1.32396	1.4117	1.33562	1.52318
PPME1	49.4233	44.1466	39.3421	41.5221	47.746
DSG2	10.0813	11.1693	10.0474	9.40269	11.7387
SUGT1P3,TPTE2P5	0.192028	0.416041	0.279019	0.243876	0.28141
ARAP1	15.0222	14.9894	14.0653	14.6689	14.7032
YME1L1	23.6341	24.7422	27.0967	22.9664	25.9754
NEDD1	4.01436	3.48509	4.21467	3.88648	3.80035
DNAAF3	28.6872	33.5319	22.304	27.0974	30.632
DCTPP1	86.0014	99.549	97.8851	88.0671	92.1684
DANCR	86.2448	84.4743	119.671	94.2929	76.4769
EEA1	1.73072	1.20511	0.701964	1.37577	1.36198
PUM1	9.58556	7.55983	8.56319	8.70188	7.2591

ENGASE	4.67081	5.50329	4.22253	5.02306	5.2037
USP13	1.61055	1.65079	1.69194	1.61923	1.60502
INIP	5.40827	5.96939	4.96363	4.66665	6.33952
PLTP	8.9565	9.62161	8.6004	9.34455	7.93026
EPB41	3.90585	3.58238	4.52605	4.25469	3.96686
SIRT6	29.5584	24.683	30.1085	27.6477	24.7574
NCOA1	2.13626	1.9273	1.94054	1.83772	2.18172
TMEM99	8.55433	10.275	9.93717	9.01631	8.28245
TSPAN31	6.96656	7.72061	7.70524	6.47047	7.558
HEBP2	48.1852	57.2884	51.9765	47.5026	54.4418
ZNF133	8.16762	6.80118	5.1418	7.16338	6.60616
HAGH	40.4209	35.7851	41.5939	40.103	34.1804
BLMH	16.6613	14.8393	14.9571	15.2403	14.3914
UHMK1	9.99824	10.5781	10.2235	8.3478	11.7144
BRMS1L	1.64405	2.45961	2.1851	1.70415	2.49076
UBE2Z	41.6668	45.9345	44.9921	39.4676	46.9087
FIBP	90.2008	98.6248	96.2384	90.417	102.487
TMEM167A	7.02721	7.56841	7.86545	6.8883	7.4962
SFXN3	37.7711	39.0812	34.9094	35.4058	41.5682
RPS13	3129.32	4294.69	3427.47	2955.69	3994.86
PPP4C	159.147	151.434	151.63	154.511	142.166
ADAMTS13	4.80171	4.63373	3.46538	4.65296	4.80007
MRPS15	120.591	124.704	114.885	117.228	116.594
SPATA2	3.72044	5.3803	4.79012	4.34573	4.73091
HJURP	19.7866	11.9676	19.1014	19.1584	13.6878
THOC3	18.4253	18.8744	16.8521	16.6617	19.9085
USP34	3.31177	2.82488	3.07604	3.10706	3.05966
GNG5	302.585	285.579	290.817	270.272	300.998
HAUS5	6.88094	5.70218	6.39766	7.22306	6.04078
OIP5	12.7437	8.20498	12.0496	11.5519	8.94391
TMEM192	2.92016	2.80623	3.44228	2.66988	2.76065
KIAA1919	0.563089	0.586013	0.51888	0.398898	0.657302
KCNC4	3.57207	3.6062	4.14945	3.87836	3.03899
MRPS36	18.5069	19.6575	22.4815	17.9719	18.5506
SCMH1	14.2458	12.9389	14.0919	14.4512	12.0558
KIF2A	5.89819	4.39396	5.68061	5.4624	4.82204
KLHL2	2.54277	2.09768	2.87768	2.77904	2.03197
MMADHC	72.2106	70.2727	78.9886	64.952	75.1073
SETD7	6.55473	6.70526	6.61351	6.16578	6.73971
GCLC	5.69122	6.6616	6.07994	5.61088	6.57746
SLC7A6	4.31982	4.40555	5.64012	4.41143	4.96806
TRMU	19.9855	16.0543	20.5473	18.3197	17.7563
EDEM3	0.725816	0.58011	1.04882	0.767178	0.702691
MZT2A	363.61	374.524	366.349	338.601	363.437
HECTD2	0.847354	0.933429	0.768896	0.877902	1.04036
GLMN	6.15856	4.65543	5.18673	5.22605	5.61244
MYRF	4.22981	4.61526	3.68112	4.17461	4.59251
TMEM87B	3.20854	2.6659	3.31954	2.78924	3.14632
RPS11	5182.25	7657.82	5392.96	4754.34	7029.06
RAD23B	50.2851	50.4747	51.7054	46.7881	51.1254
ANKRD44	0.540223	0.3804	0.596853	0.59104	0.395301
C2orf76	1.22831	1.59906	1.0073	1.30826	0.969723
CAMSAP1	8.13883	7.43533	8.85456	8.54213	7.05795
ZC3H11A	16.3149	16.3911	17.022	15.3756	16.6259
GPR137	13.0623	13.7876	14.6781	13.5278	13.0605
MARK3	19.6507	18.777	22.2712	19.9318	18.5273
TMOD4	0.130564	0.126218	0.181995	0.247832	0.116616
MRFAP1	132.094	136.051	140.29	129.42	133.693
UBA6	7.31511	6.37862	6.6364	6.38864	7.25863
CTSZ	80.878	86.4049	83.1966	79.9981	80.3358
LOC728190	16.345	19.2105	21.1459	16.2296	15.3735
BIRC6	2.01866	1.75155	2.0615	1.99262	1.84069
ZNF160	6.12635	5.31799	4.13111	5.17177	5.85213
CRAT	86.0756	86.5058	80.397	76.7497	92.6405
EPB49	19.1112	23.8291	17.7658	19.8079	20.9442
ZNF678	0.479107	0.529693	0.435775	0.476382	0.47818
WDR26	9.24626	7.51671	7.93643	8.09246	8.49821
HMGXB4	5.16785	5.2316	4.23676	5.03031	4.93362
P2RX5,TAX1BP3	88.3211	101.923	89.8538	88.5536	92.2183
TBL1X	4.64524	4.46037	6.23241	5.32805	4.5799
C12orf49	5.44388	8.35667	5.26117	4.5936	7.94171
UQCRH	876.481	939.714	871.041	788.789	914.057
CD47	5.04069	6.80691	7.7722	5.92086	6.66689
KANSL1L	3.53961	2.91923	3.77346	3.38605	3.17279
TYRO3	16.7041	19.1755	15.2501	16.0652	18.1973
GPKOW	9.60957	10.4426	9.33464	10.0303	10.1573
TRIM7	13.1242	11.0141	15.7619	14.7199	11.2615
TLR5	0.038233	0.023738	0.00686384	0.0181872	0.0297805
KIAA1551	0.82272	1.12753	0.480024	0.790153	1.10782

MLLT4	5.41982	4.63354	5.43693	5.39103	5.08704
ZNF580	83.9176	77.711	102.277	90.8356	73.4974
HSPH1	4.23534	5.7962	3.57766	4.53758	5.0885
C5orf114	37.3768	32.1332	38.8452	37.1067	33.0869
TSTD1	34.0819	38.0919	31.0439	34.0388	34.875
SH3RF3	101.641	89.7835	94.357	86.7554	94.3507
TRIM44	1.0444	0.881214	0.932284	1.00807	1.01001
ERCC2	6.29239	4.68676	5.14081	5.85221	5.12098
HIF1AN	25.8186	26.5815	25.2618	24.485	26.2204
DNTTIP1	5.99917	5.95661	6.03556	5.84324	5.75481
GALNT1	87.8586	73.8504	83.2392	74.5829	77.2043
NUP153	4.91674	4.58903	5.03294	4.68618	4.90496
USP21	6.59626	5.63401	6.62737	5.99616	5.96247
MAFA	17.5931	14.8963	15.2012	16.7002	15.1425
RPL27	4.42305	5.53594	5.19415	4.33645	5.71308
C15orf61	4296.05	6374.47	4819.98	4323.41	5618.37
ZNF501	12.5468	11.4484	14.796	11.729	12.8366
PVRL1	0.547813	0.597802	0.770346	0.582187	0.558985
C17orf70	9.55545	10.9643	7.67719	9.82899	9.83571
SSH3	14.1814	14.7357	14.9342	14.891	14.3949
PPP2R1A	19.6922	22.9368	17.8072	19.2876	21.813
NRBP1	206.778	203.947	198.155	190.497	204.303
SLC45A4	53.6012	55.1852	54.9169	51.6727	54.4834
ACIN1	4.17288	4.41061	4.78987	4.61455	3.80902
RAB5A	68.8597	58.1828	57.7937	58.7763	61.1421
AOC3	14.045	12.9895	14.8066	12.5633	14.2696
MMP25	0.927218	0.524604	1.16504	0.95665	0.798736
HEXA	2.99431	2.8243	2.62949	3.08645	2.81627
UHRF1BP1L	47.1817	52.9596	52.8042	48.0838	49.0376
IBTK	1.50319	1.49243	1.48427	1.44006	1.54432
CDK1	5.22822	4.24681	4.84111	4.4946	5.02124
MRPL49	44.806	35.9781	44.1208	44.0207	37.7537
MID2	27.2659	31.2942	34.9732	29.0717	30.3158
LOC286367	1.4748	1.31411	1.19493	1.15799	1.56478
TRABD2A	0.560522	0.857047	0.407818	0.566559	0.774121
NPAT	17.8808	20.8702	15.6995	16.4972	20.8456
EI24	1.49242	1.20882	1.52811	1.60355	1.18507
BDH1	45.3468	49.207	45.7403	41.6394	50.0042
NANOS3	23.0564	23.4135	22.0858	22.1324	23.7228
TOP3A	2.55416	2.64491	2.74748	1.97813	3.0574
LSM12	4.72282	3.85658	4.28312	4.53765	4.06261
LOC100506963	64.1177	62.5215	61.1599	59.9758	62.4336
ANKRD13A	3.28258	2.96328	3.29181	2.86876	3.37009
MRPL41	30.7522	28.5968	27.4578	24.8863	31.6139
SNX1	504.611	540.727	569.477	503.579	499.672
ALG10	5.9804	5.46478	6.32876	5.78038	5.80362
ATF6B	1.20733	1.02603	1.39078	1.24085	1.2416
TMEM5	44.5431	39.6587	44.8968	45.9668	37.1152
LINC00493	9.20581	9.5613	10.4295	8.20506	10.3989
CRTC1	128.254	129.969	138.314	124.436	119.195
TOP1MT	4.08311	4.02798	3.96374	4.02212	4.18803
DCAF6	109.285	120.152	109.031	99.5164	111.349
CDC20	5.15099	4.59332	5.97461	4.8956	4.99866
SLC15A3	136.528	112.882	156.673	135.958	100.118
STX12	1.97214	3.56014	1.85705	1.8248	4.34738
CYHR1	11.1462	10.4687	9.81443	9.88635	11.5155
CCDC93	69.0118	70.0764	72.3694	68.2277	66.0303
DDX20	4.83752	4.60457	4.35984	4.45678	4.63395
TNFAIP8L1	5.90021	6.26138	7.16351	6.43117	5.9189
APBB2	6.52379	6.01847	7.31514	6.42681	5.54298
KIAA1671	0.915595	0.840812	1.15573	1.0495	0.824985
BBS4	2.08166	2.09447	1.8201	2.05035	2.00731
TBP	4.63755	6.14375	5.45782	4.52922	6.24301
HINT3	10.9268	7.95876	10.5914	10.3661	7.50133
S100PBP	5.91085	6.25504	6.14996	5.82834	6.45639
CRHR1-IT1	4.18391	3.21406	4.08989	3.849	3.39083
NASP	4.44079	4.00479	3.9293	4.73032	3.37459
CHCHD10	46.3438	43.1458	45.1503	48.5976	43.1699
LAMP2	352.586	338.389	290.86	321.389	327.898
COX7C	12.052	13.5982	12.605	11.1306	13.5931
BARD1	1178.1	1400.89	1149.21	1097.41	1312.77
NTF4	0.207367	0.218936	0.225692	0.179675	0.253325
EGFL8,PPT2	1.60966	2.14612	0.854289	1.03858	1.91402
MYLPF	40.652	38.1457	36.4942	36.4081	39.8273
HP1BP3	0.109998	0.28956	0	0	0.20355
KIF13B	28.3421	26.1457	28.474	26.4462	27.3846
CDK5RAP1	1.78825	1.61038	1.65387	1.75285	1.63566
HLA-H	18.1763	15.994	16.7855	17.9923	15.262
	11.63	15.4006	12.2446	10.1669	16.9495

KDM3B	8.9698	7.11573	7.47833	8.25052	7.51288
RABGGTA	15.522	14.8734	15.1922	14.2464	14.5667
PRMT10	2.36436	2.30034	2.25098	2.27902	2.46878
METTL5	60.1011	62.0397	63.8078	57.2353	63.1023
KBTBD2	9.24172	7.20021	9.29172	8.49882	7.89197
NUDT6	4.81074	5.18933	5.63823	4.99744	5.2682
AGPAT3	7.48378	7.62482	8.61568	7.74671	7.8502
UBA52	349.084	442.158	371.319	339.084	399.736
SKIV2L	8.4968	9.07622	6.82816	8.36615	8.72266
RPL32	1157.77	1736.16	1318.45	1143.65	1524.42
CEBPZ	8.20759	8.04319	8.45657	7.90166	8.44022
SMURF1	7.10795	5.89162	6.96832	6.61812	6.19863
ZNF385A	17.1654	17.6771	14.3738	18.2117	14.6891
CHFR	0.42864	0.439088	0.174797	0.348242	0.504127
PSME1	164.852	196.957	155.954	158.66	185.936
LIN7C	5.75551	5.33379	6.46355	5.47054	5.68261
DCAF10	2.87917	2.47235	3.02819	2.55904	2.46568
AP2B1	46.2719	43.7044	46.6894	44.511	45.358
IL4R	6.19915	7.08934	7.11688	6.9494	6.65925
KIAA1107	0.369321	0.252507	0.298141	0.425592	0.301069
COPS7A	51.6983	53.3729	50.3714	48.2142	52.3112
GSTT2	1.19688	1.62146	0.784878	1.48112	1.28124
NISCH	17.7683	18.0673	16.3632	17.443	17.7365
C11orf84	49.6351	46.6032	45.5129	50.0823	40.5743
ZNF621	2.7831	2.07852	2.9109	2.64001	2.14852
CACUL1	7.64281	7.19072	7.38628	6.71258	7.4075
HUWE1	7.72095	7.27995	7.21428	7.68671	7.08345
KIDINS220	2.43453	2.03147	2.38752	2.24089	2.46856
KANK2	2.21699	2.98444	1.6825	2.15954	2.77631
SLC35A4	23.0642	25.1312	27.0938	24.7956	23.9801
PIAS4	11.2373	9.8501	10.3179	9.92628	11.2229
TARBP1	5.17084	4.53119	4.44919	4.49997	5.48853
JKAMP	12.6035	16.6934	13.7348	12.0357	17.498
MF12-AS1	3.99569	2.93171	3.21204	3.91785	3.63527
COX7B	319.13	327.678	318.925	298.601	311.126
FBXO43	0.130848	0.10085	0.165592	0.114561	0.115749
TMEM107	11.4891	11.3605	8.04506	9.16739	12.5837
POLE	6.7504	6.44239	6.06172	7.40482	5.76284
ZNF347	0.00459674	0.0198477	0.00576679	0.0152417	0.00624365
MGEA5	22.9252	24.6231	18.858	21.1048	24.8147
CROCC	6.53777	5.71532	5.68699	6.26538	5.7704
PPP6R3	11.5572	9.92899	13.1315	11.1715	10.2503
MSH6	6.89935	7.2022	6.64496	6.69679	7.61929
SSU72	141.75	139.105	151.596	140.394	134.697
GNPDA1	103.881	104.205	101.567	97.7983	99.3878
ZNF12	5.18521	3.69804	5.26612	5.35403	3.25133
PTK2B	0.46448	0.504311	0.614712	0.675082	0.338136
APRT	223.523	237.51	224.598	217.07	216.732
CREM	22.8082	18.1046	19.3829	20.1737	19.6217
ZNF865	8.44487	7.77671	9.11025	8.59318	8.16879
GNPTG	16.3464	25.9887	17.9791	17.0379	23.1767
SNX11	7.70072	8.76216	8.77518	7.55681	9.43232
TPD52L1	25.5743	23.19	25.8062	23.9245	22.785
ZNF764	3.63841	3.90312	3.57714	3.88865	3.71453
GSR	24.0684	23.5737	20.6629	23.9823	24.1254
DARS2	6.30661	5.80196	6.54523	6.18517	5.69486
PJA1	7.46289	6.56878	8.83417	7.42003	6.88775
SGPL1	5.90825	6.09982	8.4132	7.19348	5.77097
CD151	355.112	364.51	362.913	331.231	365.851
IFT20	23.3785	25.092	30.0723	24.5225	23.4239
WNT11	7.05907	9.7626	7.01976	8.21157	8.45436
ZNF319	2.4026	3.87253	3.18167	2.87914	3.45147
RAB1A	40.5941	42.6437	42.1174	37.2855	45.6587
SFXN1	14.8534	12.5809	13.6539	12.9497	14.3335
NUDT21	24.3048	23.6314	24.4218	23.4701	24.4926
CNP	18.8478	20.9551	20.7787	19.7311	19.8791
SNHIT1	155.983	157.206	153.605	142.496	157.794
SS18L2	18.2079	21.0329	18.3956	17.0081	21.5379
TTLL12	59.552	58.6928	50.9031	54.7196	58.2555
STAG2	9.329	8.67621	8.50801	8.53836	8.69621
CREG1	35.5678	40.3532	39.293	35.0624	40.2587
AP3M1	5.84776	5.50359	7.57789	6.12001	5.17765
ATP6V0C	241.283	253.01	253.217	248.057	245.18
FAM156A,FAM156B	0.717044	0.489877	0.528846	0.630664	0.532662
PSMB6	240.953	243.918	228.205	231.179	238.655
LOC283070	7.38615	9.1736	8.10051	7.28139	9.72557
TMEM177	26.565	40.1543	34.4755	28.8293	35.6872
COPS3	35.1332	36.7327	42.9734	38.0281	35.4944
CCNL1	19.7712	26.6549	18.4368	19.9562	25.2856

CD160	0.098979	0.179893	0.123493	0.14078	0.205313
IQCB1	13.9136	14.3008	14.2506	13.8431	14.3799
CAPN10	12.293	11.0849	12.4661	11.9991	11.2412
HEATR4	0.0147545	0.0200803	0.0541067	0.0244027	0.037257
ALG13	4.10872	4.51074	4.23334	3.76404	5.04766
HADH	41.8173	46.1205	40.4415	40.1659	45.0507
ACTR3	41.1191	35.3213	44.2841	37.6376	39.9753
AZ12	17.2098	14.1695	16.8894	15.7324	15.6319
LRP5	14.4542	11.1767	12.9965	14.104	11.3032
LINC00202-1	0.16336	0.187791	0.0830205	0.111478	0.22445
RPS25	4063.82	5935.47	4350.62	3997.93	5113.29
PROCR	150.704	190.383	149.493	144.491	180.716
DEDD2	36.0986	41.9199	38.8359	35.3474	40.3431
NAPA-AS1	2.997	5.02991	2.49695	1.86533	4.43924
RPS28	6392.92	8722.75	6173.07	5919.92	7883.93
DCTN4	13.608	11.9973	12.669	12.6233	12.1521
PTPN21	1.52034	1.33175	1.5713	1.58499	1.21913
TUSC1	7.35867	9.7948	11.7988	8.08098	10.0093
ZNF607	1.75357	1.56898	1.62401	1.64056	1.76007
MIPOL1	0.321626	0.296785	0.327597	0.231789	0.387393
PLEKHA8P1	2.14993	1.94847	2.22604	2.04678	1.93914
ZBED4	4.38178	3.38104	4.58041	4.10553	3.78488
ZSWIM4	6.54884	6.75973	5.64741	6.4617	6.21338
ZNF286B	2.42586	2.72357	2.58822	2.46424	2.34779
EIF3F	388.065	478.258	396.924	384.253	440.449
FAM35A	4.57521	4.06768	4.63892	4.39959	4.21308
RCC2	21.4181	18.6305	27.8741	24.7219	18.5372
LOC100289561,PRKRIP1	35.6768	32.6432	29.0195	31.2247	35.0286
PKN2	4.41084	4.13051	4.06054	4.10319	4.45794
FAM174B	6.77021	9.41087	7.69269	6.60506	9.15794
MYL6B	113.977	126.506	108.831	99.8078	124.686
SLC35B2	42.2743	41.2239	43.6359	41.3421	40.8296
PLEKHA6	1.55256	1.48274	1.58506	1.59381	1.28268
BABAM1	56.6745	56.0044	48.6634	52.5025	52.1714
ZNF18	2.11636	2.10632	1.81934	1.81544	2.34964
FBXO33	2.60542	2.70377	2.54108	2.38258	3.07189
SFT2D1	106.362	98.9953	110.486	99.268	106.169
VCPIP1	2.59556	2.33109	2.73294	2.56127	2.40723
GRTP1	11.7614	10.254	13.0832	12.4883	10.4873
FAAH	9.64288	10.0173	8.88126	9.24872	9.54236
DHX38	14.9916	13.949	11.7187	13.6511	14.3785
GPR107	15.3126	15.6201	14.9844	15.08	15.0341
RGL3	15.0568	13.242	11.2603	15.938	11.4136
FUT8	2.21294	2.26414	2.13926	2.10051	2.19238
EIF3L	225.073	334.96	260.439	230.037	308.815
CIB2	22.1026	25.2592	20.4667	19.1997	25.7292
CSNK1G1	2.20461	2.02224	1.7772	1.98882	1.93803
ADRBK1	38.2727	36.689	37.2553	37.0312	38.5079
LYPLA2	91.0887	104.76	91.213	87.1868	99.8046
FLJ13197	0.0354317	0.0168976	0	0.0196974	0.0318857
TYK2	21.9107	21.061	16.5864	21.4134	20.1521
PSMA7	254.4	279.856	273.945	263.069	256.703
GRINA	335.617	360.121	336.902	317.063	353.72
MRPL44	25.9459	26.5644	27.0678	24.8727	25.8869
ILDR2	0.554885	0.554551	0.748216	0.602656	0.580109
APOBEC3C	14.4755	15.3819	15.37	13.6332	17.0986
IPO9	5.72009	5.51445	5.21985	5.44311	5.64128
CD68	433.38	465.366	369.107	382.546	464.942
ATP7B	1.19983	1.18546	1.0449	0.969561	1.40219
SYK	8.88556	8.73126	8.97969	8.56899	8.80753
PTK6	4.95218	3.59152	4.83584	4.43208	4.49652
DCAF8	14.5721	13.7398	14.8565	13.3921	14.8333
WBP5	44.1989	52.1578	40.0995	39.233	52.7189
AP1B1	27.9768	23.456	23.8339	27.4835	22.7961
ACVR2B-AS1	0.353968	0.565757	0.560154	0.364131	0.630464
LHFPL2	2.71035	2.18025	2.91116	2.73542	2.24351
BMPR1A	2.78441	2.8328	2.88716	2.74338	2.93984
TMEM216	24.7384	32.7412	31.0761	25.9341	31.6224
C1orf174	15.861	14.7822	14.8143	14.4617	15.4473
EXOSC9	16.639	16.9922	18.1756	16.0852	17.7066
RPS6KB1	2.41218	3.19635	3.04361	2.52362	3.20737
USP48	9.14817	9.02351	7.51381	8.14699	9.8174
PSME4	9.60535	9.4881	9.51294	9.04265	10.0141
LOC389765	0.892406	0.461413	0.58251	0.576709	0.597454
CCT6P3	3.02102	4.1094	2.80249	3.21079	3.62219
USP27X	1.12355	1.31857	1.31355	1.55485	1.21141
SFN	57.1246	64.2764	70.3866	63.1343	66.369
BEGAIN	4.62384	3.90224	3.78905	3.55152	4.91659
NDUFB3	70.6778	61.4763	62.4224	66.5868	60.2391

ZNF202	2.85982	3.45533	3.97531	3.07509	3.50976
TNRC6B	1.2462	1.32232	1.27506	1.30984	1.25628
PDXDC1	10.9436	9.59333	11.6451	10.6972	9.37989
ZDHC7	10.609	13.3589	11.1858	10.6688	13.2979
ADH5	45.3562	48.1789	47.4663	42.3255	51.2717
ATAD1	10.7257	10.7826	10.3516	10.0663	10.7896
ZNF148	2.03435	1.81868	1.97403	1.97443	1.77673
PDCD4	15.5468	14.3277	16.5627	14.8081	16.3061
SERINC2	34.6688	33.0803	31.3246	32.7714	32.9998
TFG	59.9107	50.5903	65.213	56.9874	52.0561
SMPDL3A	1.38945	1.54568	1.51527	1.41802	1.49956
KEAP1	40.4274	38.9051	39.4353	38.9086	37.6753
TCEANC2	0.733981	0.700336	1.13084	1.0098	0.70019
PDE4DIP	0.583225	0.609308	0.479375	0.387847	0.802445
PPP1R9B	19.9277	16.5818	18.0236	21.8331	16.2679
SLCO4A1	28.4945	39.3569	23.0943	25.4364	39.4393
TLCD1	11.4699	15.3273	11.8616	12.7648	12.0781
MAPRE2	2.86652	3.00182	2.84986	2.75751	3.15246
AP1S1	175.051	162.488	165.521	155.596	178.521
PRELID1	161.734	173.384	177.571	167.142	160.342
TEAD3	13.9432	10.9946	12.1374	13.275	11.0822
PHF13	5.81233	6.48926	5.91247	6.35317	6.49293
ABCG4	1.46928	1.3562	1.52321	1.4584	1.43033
MSMD11	27.456	25.957	25.3721	24.6694	27.5208
ANAPC10	6.64079	6.2497	7.20933	6.19586	6.51621
LOC550643	90.1553	94.4056	82.054	82.2222	93.6793
METTL4	1.67256	1.4677	2.12217	1.74715	1.44501
ZNF222	3.34761	2.89496	3.6149	3.20767	2.96364
ABLIM1	8.73835	9.85462	9.01129	8.75891	10.1255
ATP6V1E2	2.09165	2.34488	2.65582	2.54832	1.87255
ATRN	3.52867	3.96632	3.25051	3.33875	3.79894
ZFP41	3.95003	3.73918	5.81712	4.89526	3.51634
GPS1	73.6421	86.643	71.5023	73.2895	78.9868
PTP4A1	14.2406	14.0754	14.8431	13.8314	14.5207
EED	12.135	11.8314	13.4469	12.0103	12.6871
SF3A1	23.0092	24.1052	19.5843	22.1777	23.2482
ZCRB1	21.134	22.4063	23.2693	20.2195	22.6394
MSANTD1	0.164433	0.0732341	0.197645	0.137416	0.101036
LOC643669	0.58136	0.480028	0.363243	0.224559	0.888924
PGP	9.27137	11.6796	10.1218	9.8196	11.2543
NUP50	10.1232	9.26881	11.892	11.267	9.21531
MCMBP	14.6582	14.6377	16.6283	15.2808	14.7624
SEC24B	7.37051	5.03753	6.59591	6.71642	5.44299
PGGT1B	4.18112	3.54217	5.08967	4.39741	3.37842
SMC6	2.01861	1.49018	1.71028	1.90709	1.63974
SNHG9	39.7901	74.0369	43.7577	34.1532	73.9185
NDUFS7	183.584	157.411	163.936	177.648	149.277
PDZD8	2.01546	1.51733	1.91151	1.83452	1.70492
VSIG10	3.78914	4.1122	4.15494	4.14649	3.92226
SDHB	120.827	114.378	126.269	116.369	117.995
PODXL2	45.9712	53.095	48.5594	48.0363	49.9692
PDHB	28.232	26.9694	31.561	27.3366	29.3497
WTAP	30.3941	34.3725	38.7893	30.6526	36.3973
CLPP	199.768	188.104	192.544	190.744	182.319
CNN1	0.139146	0.0911109	0.220847	0.115388	0.249976
BAP1	24.9801	26.1407	22.3361	24.2478	25.275
RHOT1	7.26203	5.44599	5.72238	6.02694	6.72172
IL8	0.033714	0.119995	0.0145922	0.0188695	0.147681
ALDH5A1	4.25095	4.30609	3.73535	4.2826	4.34833
MORF4L1	74.0053	74.7348	71.5083	70.8455	73.7978
FAM126B	1.33826	1.18143	1.03248	1.08026	1.3167
DNAJC24	3.13274	2.27848	3.48143	3.13692	2.6773
DAP	31.7151	36.3487	36.9752	31.4104	36.546
BCL11A	1.06892	0.680916	0.846303	0.899681	0.899285
EVA1B	23.1491	25.0938	31.4703	25.4627	26.456
C1orf50	11.2895	11.829	12.4856	11.5039	10.9414
HMG20A	6.83436	6.81457	7.11908	6.55065	7.37967
GTF3C5	97.4524	94.0897	93.9491	102.091	88.0322
CNFN	5.60388	6.52758	4.44426	7.28772	3.79567
PPP6R1	41.6988	40.1978	40.1995	40.0998	40.293
TSPAN5	4.07223	4.49683	2.84847	3.11876	5.47081
LAMP1	63.2672	68.6246	68.0212	66.2476	62.36
ZNF432	1.41581	1.61891	0.94729	1.42573	1.82009
ZC3H18	8.55454	8.55597	8.05726	8.76237	7.93963
MAD2L1	50.3972	47.7515	51.4205	49.2545	51.4337
EIF3K	269.308	331.071	288.34	276.745	287.58
PRRC2A	36.5146	34.7457	32.6522	34.8866	32.83
TARS2	29.9372	26.992	24.7573	27.6434	27.9147
POLD1	35.9538	29.0712	29.8451	35.1679	29.4442

WDR6	26.2645	32.3002	25.8565	25.8852	32.769
DHTKD1	3.59968	3.39476	3.87206	3.94125	3.33738
RPS27	9158.54	14949.6	9956.71	9227.68	12337
KIFC3	47.3312	45.3093	44.207	43.29	47.8671
MINA	7.763	7.86776	8.0684	7.01278	8.24121
TRADD	8.72727	11.3483	10.183	9.8924	8.54618
CCDC130	23.3035	20.0681	20.0384	22.8799	17.0251
ZRANB1	4.13701	4.03305	4.4042	3.97079	4.3592
RAB11FIP2	1.41686	1.3659	1.56979	1.55259	1.30995
COX10	9.21073	8.16585	7.60131	8.13918	8.43312
ARPC1A	108.945	123.522	124.164	115.162	117.768
ADAMTSL4	4.28424	4.25061	2.32822	2.98434	5.47972
SLC12A7	14.3541	13.9611	12.164	13.8218	12.8166
ATXN7L2	8.76118	10.8637	5.59149	7.90889	10.4391
ZNHIT3	72.4947	80.6407	83.1012	70.6765	76.9797
DIXDC1	1.00716	0.807185	0.724432	0.913861	0.915889
AMMECR1L	5.40471	6.30589	6.46824	5.98988	5.6784
EXOC8	1.9642	2.6661	1.9242	2.03813	2.35543
RREB1	3.27696	3.03095	2.60435	3.13391	2.79496
ZWINT	29.6655	27.4402	31.9606	33.0918	26.1786
HOOK3	1.16127	1.07163	1.07092	1.11614	1.12843
STK11	21.0892	18.7569	24.9192	23.3516	17.5002
FAM109B	2.13517	3.47497	3.10895	2.37772	3.25729
NDUFA5	33.4871	32.7453	32.4767	30.2453	34.8636
ARNTL2	3.41343	2.92451	3.36017	3.24868	3.24224
MYCBP2	1.63598	1.43037	1.47191	1.50163	1.52852
CMTM7	90.2479	80.6092	75.6142	79.1778	84.8307
SLC37A4	23.4255	27.5172	22.1673	21.4541	27.9285
VPS39	7.71869	9.50867	7.88071	7.72945	9.38571
C11orf31	168.562	159.094	169.611	157.638	165.149
PAQR6	5.21386	3.72587	3.14184	4.6907	4.06156
ARL6IP6	4.2973	4.64246	5.87656	4.75284	5.39064
TM2D3	18.9983	21.7924	18.1092	17.5711	22.0517
CLCN3	6.04085	5.57011	7.14381	6.34511	5.62048
TRAM1	36.0357	42.1394	43.0202	34.6597	44.323
PDCD6IP	17.7607	17.0282	16.543	15.5252	18.8441
SLC23A3	0.594454	0.738584	0.672709	0.920938	0.398355
ELOVL7	3.61634	3.56136	4.18492	3.72343	3.52631
ACTN1	74.4514	74.9034	69.1116	69.3661	78.4394
ZNF25	2.03137	1.59728	1.64617	1.69194	2.00866
MYO1C	49.0556	43.0448	50.9406	49.3915	42.849
SLC37A1	7.29396	6.35816	6.22661	7.27321	5.59612
TADA3	65.7408	60.2287	71.4343	60.4531	64.106
NFKB1	7.5104	6.37544	7.76824	6.79995	7.23272
BSG	614.019	700.518	585.416	592.045	673.165
LOC440335	0.0685816	0	0.251393	0.109924	0.0857111
ZNF799	1.51996	2.17902	1.52075	1.5893	2.34246
PSMB4	499.541	521.438	496.33	467.779	514.479
EARS2	10.3867	9.55285	10.2617	9.17318	10.4192
SH3BGR1	17.128	21.5633	15.8432	16.5805	21.275
ARCN1	26.5901	24.4046	27.7491	24.2194	26.5406
CHCHD5	40.4085	38.7951	32.8826	36.8824	34.5165
OSBPL2	9.23412	8.4909	9.00151	9.4359	8.28588
CDKL1	0.914233	0.817509	1.05195	1.03472	0.871344
C6orf170	0.413843	0.313877	0.264563	0.371948	0.338989
CAMK1	34.0034	34.5715	31.0728	31.5425	35.9326
NDUFB9	561.594	579.077	611.445	559.452	552.685
MAST1	6.58324	5.12788	4.89079	5.84564	5.58343
ZNF547	9.94656	10.8327	9.91495	9.61794	9.99202
CTDSPL2	3.33261	2.68359	2.60101	2.74188	3.22964
NMT2	3.44369	4.1685	3.45583	3.23112	4.14403
SIX4	2.40793	1.62801	2.28509	2.23489	1.82564
THSD1	0.937601	0.903102	0.815729	0.816869	0.819221
ROBO3	3.14123	2.5923	3.33138	3.65708	2.39575
PRPF18	10.7779	11.4142	8.90542	9.48623	12.0431
FBN1	0.0243111	0.0293646	0.00234157	0.0188066	0.0299626
SELRC1	3.77225	4.85246	5.0366	3.76608	4.81255
RAD21	65.7689	59.3964	59.904	65.1691	60.7415
PRRC1	7.65493	7.13845	6.89824	6.95688	7.54931
TBC1D25	6.17449	5.62288	6.14537	5.14827	6.744
ZBTB11	1.93133	1.49879	2.22306	1.84497	1.72657
APBB3	10.8594	8.22876	6.62793	9.35183	8.43609
TBC1D24	3.49554	2.55691	3.60025	3.35626	2.2859
TROVE2	6.50144	6.33114	5.10271	5.03806	6.95223
MED25	23.6026	20.6987	20.0937	21.5039	21.9443
RFC4	29.0982	22.0621	33.7555	31.869	22.8553
ZNF300	6.28503	5.39712	6.57482	6.64239	5.51708
DDR1	10.0148	10.5513	10.2366	10.5313	10.4353
SAR1A	22.6196	25.82	25.9075	22.5238	27.0552

TLE2	36.7953	38.9375	30.247	33.7166	39.7466
PODC2	0.145062	0.10021	0.267651	0.212132	0.0689383
FAM203A	1.59673	2.12304	2.24791	2.03815	2.0626
TIMM13	79.6299	77.778	86.6287	79.5858	70.7401
BBS2	14.5128	11.2402	13.6051	12.6138	13.5328
CWC15	25.9777	28.3212	22.8272	23.5767	28.2111
BACE2	18.3279	21.9461	15.6614	16.155	22.2214
TAF6L	10.5414	10.2717	11.2846	10.4572	10.3408
RAB28	7.78677	9.90861	10.1776	8.87299	10.0567
CHRNA10	1.15577	0.555742	1.47151	1.34688	0.430087
ADAM8	1.11342	0.67567	0.903156	1.06433	0.834158
TRMT61A	10.71	11.6857	16.2531	12.4237	10.4548
RFNG	68.2529	74.4286	63.6533	62.7538	71.8617
RAB5C	72.7823	80.8154	75.5446	73.815	74.8089
FAH	30.5716	35.0379	24.3896	27.5471	34.8281
SMC5	3.74378	3.75315	2.72043	3.4114	3.8747
SEPN1	74.8196	83.2531	65.3255	73.518	80.1199
CPSF4	60.9589	55.5067	75.1441	64.0806	53.5681
PRR7	40.2235	31.8807	51.758	43.8954	36.8799
LOC286437	0.261432	0.256976	0.188803	0.187194	0.228086
LOXL3	5.91493	4.9827	6.2176	5.83171	4.68967
MAPK8IP3	11.0956	11.2132	7.4742	10.5515	10.9485
ZNF358	53.7161	51.7178	60.6011	56.5825	45.0967
EPG5	1.58674	1.57243	1.30776	1.56595	1.53842
FAM171A2	9.30217	7.75854	7.97325	7.58974	8.96876
AP2M1	204.522	234.518	183.889	181.962	237.05
FLJ31306	9.67269	10.8987	12.6187	10.7762	11.2274
SLC31A1	10.8139	13.1105	16.4809	13.8937	11.9944
LRBA	4.23316	4.02469	4.19211	3.86793	4.36578
AGPAT6	13.7065	15.6396	15.3654	14.0149	15.8323
XRCC3	12.848	10.1519	13.3982	14.6381	9.3743
KLHL28	0.723422	0.714905	0.770142	0.600073	0.87606
TSC22D1	12.8153	16.9859	16.0109	12.9598	17.0697
RPS3A	3029.3	4669.82	3484.28	3000.12	4254.7
APTX	15.7833	17.6286	17.2711	16.8561	16.7182
C16orf13	172.843	185.41	161.584	163.937	174.986
PQLC2	27.7158	25.0528	28.8757	26.3436	24.4696
EPS8L1	10.0732	7.57489	8.56251	7.70151	9.00601
FAM195B	63.8983	65.905	68.7183	67.4197	58.271
KCTD14,NDUFC2,NDUFC2-KCT1	18.3908	23.2043	20.0502	18.5462	22.1636
SCARNA17	8.44111	5.33345	4.61315	4.70923	7.34795
MLX	35.3786	27.8657	29.1778	30.2631	28.9603
FAU	1758.73	2423.01	1875.91	1732.67	2204.7
CRYZ	17.9568	16.9445	16.4708	13.6118	20.726
CDK13	1.83145	1.32367	2.25359	1.84764	1.4603
LRR1	15.3695	13.7012	16.6909	15.7333	14.0797
SCAMP5	22.9675	25.2246	20.5335	22.6978	24.6905
PPP2R2D	14.1521	10.3946	15.1907	14.1705	10.3471
AAED1	26.9891	28.8377	31.0372	27.5404	26.8368
ZNF318	2.25744	2.61394	2.249	2.13806	2.68303
ADCY6	7.44944	6.66667	6.29183	7.18768	6.5939
SNRPB	431.725	413.691	494.029	434.262	400.214
SEC31B	0.779321	0.674447	0.483542	0.675128	0.926342
MED27	50.1558	50.547	50.4551	46.6939	50.0558
TCF7	5.38802	5.81202	6.77301	6.85209	5.23525
NECAB3	34.3438	34.6179	31.3972	32.149	35.0053
TRRAP	6.22651	5.19082	5.74371	6.13718	5.27711
RNPS1	136.064	127.398	140.083	130.383	128.255
SNRK-AS1	0.132727	0.290659	0.280393	0.232792	0.327626
SDHAF2	26.5034	34.4084	30.0237	26.3832	33.7
STARD13	1.67315	1.35778	1.35824	1.30496	1.61165
PSMD3	81.3565	84.7216	85.5952	82.1953	84.0339
CNNM3	7.16528	8.10472	7.16336	6.80249	8.56435
FTSJ2	15.0915	20.9051	15.3609	16.07	19.3768
C3orf14	0	0.146214	0.041909	0	0.186964
TOB1	8.0932	13.7896	9.45456	8.24797	12.9148
FAM108C1	10.0363	8.80306	9.58771	10.3939	8.39773
GNAS	447.766	485.045	448.069	441.391	475.514
PGM2	9.12431	7.21668	8.27757	8.10362	8.5112
BRAF	2.24624	1.73516	2.40524	2.19242	1.80699
BLVRA	46.0592	55.2377	38.7961	42.3331	52.9817
PSMD5	17.8485	17.8168	18.786	16.3664	19.5581
COG1	7.54942	7.4926	8.60951	8.23578	7.25528
MDH2	338.47	355.68	320.781	316.878	345.68
CISD1	11.7354	11.4858	11.914	10.9778	12.152
CHD8	3.50682	3.89664	3.4115	3.54818	3.68684
CHMP4B	64.2097	69.0743	61.6762	67.1032	64.3842
YIPF3	65.8752	72.8876	77.9068	69.7414	71.8024
CHMP1A	44.9432	45.7531	48.3405	44.6062	45.9522

RPS6KA3	3.54232	3.21457	3.59134	3.53526	3.31088
DDX55	10.7448	10.2732	9.40298	10.5366	10.5431
GAPVD1	6.57212	5.92806	6.64899	6.54509	6.09964
C1QL2	0	0	0.0424524	0	0.0421837
LOC100288123	0.0742646	0.324904	0.176823	0.247187	0.237232
MUS81	26.7283	24.247	33.7312	29.2058	23.9416
TAF7	26.5935	36.1326	31.8476	26.522	36.0497
RXRB	25.8884	22.8069	24.0068	23.7127	24.1564
AMBRA1	6.47389	4.75991	6.02425	5.70589	5.14138
P2RY2	0.36273	0.585599	0.602258	0.404198	0.589424
ZNF557	1.58335	2.0012	1.9842	1.72673	1.86972
RRN3P1	4.96667	4.80455	5.62772	4.93092	5.20616
SMYD5	22.7617	22.7202	21.1593	20.7267	24.7746
ANGPTL6	2.689	3.49448	3.94668	3.08748	3.47218
DCUN1D4	4.93507	4.60063	6.42895	5.2305	4.64921
TMTC4	4.22412	3.76718	3.99998	3.73245	4.19832
F8	2.29557	3.69625	2.74311	2.16119	3.66855
ZNF253	1.57086	1.5599	1.56224	1.72777	1.56965
ANKRD17	6.5713	4.62309	6.06736	6.06965	5.26641
TRIM16	3.57709	4.00496	3.91447	4.01771	3.66518
CC2D1A	20.8962	17.4438	21.5563	23.5579	16.0823
FNDC8	1.22929	0.834291	1.55016	1.4791	0.655051
LOC202781	7.60691	9.36337	8.29544	7.17544	10.4693
TRAK2	1.33125	1.11259	1.43575	1.28564	1.22188
CCNB1IP1	132.205	172.202	167.393	145.25	151.429
LRRC15	0.0142095	0.00660727	0	0	0.0122625
C18orf54	1.35569	0.920722	1.56402	1.44147	1.085
BORA	4.53818	3.50868	5.39308	4.60922	3.84699
ZUFSP	6.72387	5.08081	5.61051	6.1069	5.33452
ASH2L	8.9526	8.75651	9.28927	9.09294	8.90884
SLC31A2	7.50985	9.08279	7.83331	6.98074	9.18038
KIAA1656	0.587659	0.492653	0.557401	0.693633	0.427326
RLN2	0.0360121	0.0458698	0.080011	0	0.0965289
CERCAM	75.8385	86.6414	64.3724	68.082	88.3299
KIAA0391	14.6545	18.2245	12.5023	13.3322	18.2575
DPF2	32.0502	27.073	28.6503	28.8896	27.2217
CYBA	375.473	355.738	382.245	356.888	360.565
GALNT7	3.54332	3.76545	3.86385	3.85628	3.49653
PUSL1	36.6406	46.37	40.6698	38.2069	42.8979
MITF	0.473556	0.287681	0.638555	0.603636	0.231338
TXNL4A	70.2357	67.6631	76.1404	73.6591	63.645
DLX4	0.832448	0.653936	0.970445	0.813928	0.796107
ATP6V0A1	10.725	8.97777	11.5829	10.7506	9.39875
PPP6R2	12.8708	13.1191	13.6909	14.0556	12.3213
ATXN7L3	14.9401	16.3218	17.62	15.9441	15.9345
ANKS3	8.07128	6.01566	8.35231	7.00073	6.53473
CHD6	1.39253	1.39226	1.0022	1.1107	1.41661
EPPK1	0.00546939	0	0.025864	0.018181	0.0128575
AGO1	3.03089	3.57348	2.99281	2.91672	3.58098
ATP5G3	60.4292	67.8803	61.7499	56.6846	68.6175
RHEB	84.1862	84.7419	85.5819	79.6013	85.9151
ITGA5	26.8253	25.8788	22.7554	25.649	25.0398
RASAL2	0.748833	0.898638	0.780295	0.71653	0.910458
ANKRD28	4.31886	3.92208	4.16213	4.11906	4.11896
CCDC101	13.7508	12.305	13.2646	13.5934	11.7408
SEPT7	18.1897	19.6405	19.4939	17.5673	21.4374
IL17RD	1.42551	1.13231	1.37898	1.03382	1.379
PKDREJ	0.00646479	0.018723	0.00811516	0.00539044	0.0219096
NDUFS6	130.104	123.219	134.698	135.866	111.922
AMY2B, RNPC3	3.11347	3.04564	3.57523	3.00852	3.69779
GALNT4, POC1B, POC1B-GALNT4	5.44621	5.75357	5.50355	4.75886	6.66087
CCDC90A	4.71166	4.9704	5.31104	4.73852	5.25561
MTX2	38.6817	33.8579	38.5621	36.497	33.7364
RPS14	3897.51	5410.41	4202.1	3780.32	4897
ZIC5	1.12135	1.67866	1.47588	1.43351	1.40394
CIR1	12.6381	14.1576	10.5756	11.5641	14.129
RPS6KB2	47.9363	58.4588	46.4331	49.0872	56.1236
DNAJA4	6.32263	5.89041	5.50535	6.23355	5.6209
UBTD2	6.61203	6.17337	7.39069	5.86087	6.39133
PSMA1	138.6	133.183	137.995	130.73	139.233
CLN5	5.3052	4.90957	5.99604	4.53431	5.43517
MARCKSL1	233.515	278.117	232.715	219.553	274.766
EZH1	4.89272	4.02883	4.50066	4.87297	4.20415
GNE	2.36931	2.04122	2.38035	1.88922	2.38793
USP8	4.82367	4.13809	4.87038	4.67479	4.68015
TMEM248	15.7374	18.0307	16.3661	15.7119	17.7993
GID8	15.517	16.577	14.9724	14.6172	16.7028
MARVELD2	0.422449	0.480283	0.45052	0.320807	0.641872
SGTA	67.516	62.7156	77.1235	69.9952	59.1015

LLGL1	16.5911	19.7307	16.8232	16.3598	20.4191
GYS1	63.4153	61.4584	43.2966	49.113	67.1225
DNAJC18	1.53834	1.88451	2.23906	1.56738	2.00132
RPPH1	26.4798	74.2016	24.4559	17.9216	59.8073
C19orf26	3.79406	2.83915	3.46628	3.99709	2.56388
PGBD1	1.2447	2.45713	1.65789	1.28007	2.51837
SMIM3	6.91628	10.1903	8.50279	7.39988	8.51858
HEXIM1	7.97159	17.0633	9.48285	7.84404	16.9019
FLJ37453	2.25193	3.4155	2.25363	1.81284	3.50361
UBE2G1	10.0289	10.2786	12.8248	10.6103	10.9832
CHCHD3	72.6118	74.2199	77.0012	72.2216	72.4156
PLS3	11.2801	10.8061	12.4223	10.7395	12.1587
GANAB	84.9896	92.6098	91.1388	87.3279	97.4301
RPL27A	345.882	494.807	384.656	344.882	437.634
TMEM246	25.7586	27.6708	28.0093	25.7839	26.9962
HDGFRP2	43.3115	40.6373	35.4778	39.8049	41.5317
RCCD1	10.0377	10.8726	10.1429	10.3925	10.427
CCDC12	39.6458	43.3929	31.7938	37.3195	40.1528
ALAD	7.50461	8.71791	7.27276	7.37448	8.93318
CNOT2	18.2319	16.8377	17.8171	16.6408	18.5447
SNORA12	2.11394	76.5497	2.58752	0	80.9375
S100A10	160.889	291.911	152.014	120.172	304.596
DCLRE1A	2.54387	2.27173	2.87816	2.31793	2.70196
MYD88	12.531	14.1548	13.3285	12.3011	14.7288
STRADB	16.1577	20.7427	17.6093	16.0419	22.5575
EP400	3.18733	2.86171	2.81412	3.21429	2.90392
CEP112	1.88384	1.2386	1.66217	1.35055	2.21415
LAMA5	3.54838	3.98873	2.50117	3.44	4.02507
SNRPF	138.978	130.524	144.404	134.619	131.489
B4GALT2	43.3135	41.1463	46.2914	40.9721	41.8187
RPS27A	1595.65	2314.02	1857.48	1666.58	2011.16
APITD1,APITD1-CORT,CORT	7.33995	9.49363	10.4149	8.92271	8.77967
MCTS1	2.73925	2.71352	3.13726	2.61953	2.68484
TXNL1	67.1405	62.9795	88.9591	69.4566	63.3443
PIIP5K2	2.86439	2.56485	2.20826	2.38869	3.03581
AXIN1	31.4839	27.9546	31.9793	30.2422	27.5359
CPNE1,RBM12	87.5768	100.803	82.8652	80.8678	99.6912
PTPRH	0.912282	1.02291	0.778712	0.953373	0.811034
PTS	14.8886	14.2887	14.3449	13.8107	14.6127
RNF168	6.84965	6.06852	4.60716	5.62822	6.50747
TRAPPC2L	78.7161	92.8884	68.6548	75.5789	80.2561
SMARCC2	16.2799	14.9246	16.0317	16.8885	14.806
LOC100505687	2.43703	3.9025	3.97231	3.47105	3.66675
ZNRF3	1.69319	1.12251	1.82244	1.81667	1.01179
GRK6	26.689	29.2293	29.5075	28.7754	29.2332
GPD2	4.00616	3.85146	3.60993	3.8482	4.09153
PGS1	11.3778	10.147	12.0561	12.7527	9.52848
THYN1	54.6702	57.6572	56.8186	54.4499	54.5542
PKN1	112.84	111.136	115.445	111.832	106.505
HSDL1	7.07097	5.58457	6.41314	6.1397	6.70919
MIR4315-1,PLEKHM1P	2.40196	2.0633	1.58863	1.9444	1.96643
TNPO1	9.55397	8.19011	10.9453	9.35124	8.73687
SMEK2	7.23436	6.04951	7.29753	6.80942	6.62289
UBE2M	128.895	127.801	136.379	126.445	124.902
TRIAP1	17.8333	24.1947	21.5943	16.1976	24.0917
NR2C1	5.52486	4.78924	5.35962	5.07795	5.29771
SPAG9	3.93242	3.29999	4.05026	4.01348	3.0788
ATPIF1	319.94	292.758	251.015	289.573	302.2
PRDM6	0.036404	0.0672306	0.0736314	0.0805768	0.0312977
BMP8B	0.709657	0.714234	0.954769	1.03674	0.644559
PAPOLG	1.65793	1.59295	1.80817	1.65368	1.6346
NFATC2IP	10.0869	8.90782	9.0761	9.96294	9.54084
ARFGAP1	32.8075	30.1647	29.2993	33.5531	28.6361
CRELD2	10.0578	15.3719	8.89558	10.2089	15.2757
CSMD2	0.0156934	0.024556	0.01911	0.0262213	0.0169359
CDC40	4.68154	3.79399	4.73445	4.37639	4.20937
TMEM212	0.0316946	0.227006	0.0661959	0.157466	0.127725
LOC100127888	1.21807	1.43797	0.844651	1.32007	1.38296
TUBD1	1.9325	1.76133	1.85554	2.0905	1.28402
F10	0.136958	0.120205	0.270907	0.188751	0.138978
PRKCZ	18.6023	19.3431	18.6701	17.5745	20.2848
PHACTR4	4.30991	3.62777	4.56659	4.24549	3.91674
C1orf86	151.797	135.033	159.333	144.589	149.292
ZNF250	1.5528	1.46467	1.81856	1.8795	1.32754
FAM213A	17.1065	18.5701	16.7569	16.6494	18.9675
SECISBP2L	2.218	2.17833	1.94595	2.00139	2.40195
PLOD3	48.7216	50.09	43.4213	45.0576	51.8088
ADAM15	97.3955	120.202	82.8139	85.9953	121.316
WIZ	18.4525	15.8864	15.5247	17.4889	15.1522

AVL9	4.84415	4.46298	3.87391	4.10985	4.47651
RPS6	4035.79	6036.63	4443.99	3960.94	5600.43
DENND1A	14.9184	15.7974	11.7955	13.7227	15.8696
CAPNS1	271.396	263.895	265.08	245.546	280.438
ACO1	14.7736	15.578	14.7034	14.4816	16.1175
PAQR4	23.1025	28.9811	24.5457	23.5042	27.3893
EIF2B2	18.591	19.8159	18.438	19.5916	17.8199
TMCO3	7.99471	9.28865	9.97147	8.7371	9.00249
GTF2H4	25.9373	32.9462	24.5269	27.5395	29.1142
SAMD4A	3.28808	3.21353	2.81823	3.29733	3.08409
FLOT2	37.7933	40.576	33.7273	35.6441	41.2469
WHAMMP3	0.176689	0.17132	0.189769	0.167166	0.154469
RP9	12.8339	14.3048	13.6229	14.1388	12.5404
TMBIM4	25.7486	31.2464	31.6278	25.5337	29.5043
FEN1	19.8824	19.5787	19.9383	22.0787	19.7576
DLL4	0.672234	1.60661	0.788069	0.869572	1.6806
NSL1	0.861161	0.994109	0.879203	0.977438	1.02052
FBXO11	9.03056	8.16818	10.0343	9.66685	8.94753
UBE2S	505.243	458.116	642.303	536.165	416.377
MPHOSPH8	11.03	9.61557	8.9685	10.2035	10.3866
ATP6V1E1	55.5437	56.5968	47.7733	50.6561	56.3419
NECAP1	7.29697	7.78714	8.28509	7.34384	7.95017
MED4-AS1	3.46575	4.11064	3.18218	3.24848	4.38811
ACRC	0.306455	0.164364	0.240221	0.324549	0.175716
POLR2I	90.4833	86.9513	91.2768	78.9766	93.51
HEATR5B	1.84129	1.73297	2.16887	1.86298	1.84605
RBMX2	18.0726	17.8111	21.8186	18.1553	18.1075
PRKCD	15.7993	14.2078	14.0777	15.2713	15.0273
TADA2B	5.33345	6.61667	4.7308	5.2478	6.11924
CCNY	23.1714	22.7677	27.5647	22.7348	23.9161
FAM168B	8.95119	10.5532	10.2074	8.9938	10.8531
CEP70	2.74421	3.05342	3.15954	2.7178	3.43579
MTRNR2L4	0.0817987	0.295858	0.128779	0.273206	0.0842037
ARHGAP10	4.79339	5.09652	4.35988	4.80069	5.02476
SLC41A1	12.1176	13.5052	11.0786	11.6944	13.2859
FAM32A	36.6356	45.6833	42.3147	38.6301	43.1884
TBPL1	7.93073	6.71629	9.66512	8.17861	7.07482
ATM	1.76372	1.42057	1.48824	1.6144	1.54647
BTNL9	2.67217	3.44423	2.47895	2.95833	3.11362
RC3H2	2.84984	3.31353	2.6616	2.55093	3.2964
IL32	380.902	401.7	346.265	347.063	408.168
ZNF174	3.89842	4.21561	3.90392	3.71869	4.41479
TMEM145	32.2161	32.0032	23.5775	31.6843	31.588
ARHGEF16	16.9326	12.0873	12.8814	15.2287	12.2503
KPNA4	7.53459	7.01643	9.78801	7.78932	7.65004
PAXBP1-AS1	0.0705402	0.0705422	0.0785241	0.0399971	0.0666449
VPS33B	7.47636	9.01864	7.2051	8.32814	8.53903
ADCK3	23.0092	25.7828	20.5183	20.3492	27.4951
ZCCHC14	2.63006	2.3371	2.97852	2.76184	2.38804
METTL10	3.41232	2.51421	3.85734	3.17285	2.85906
DHRS7	51.5364	59.8849	52.7767	49.9532	60.3633
HS6ST1	11.4716	12.0389	11.5573	11.7351	11.8916
CNEP1R1	5.20047	5.92708	5.49526	5.43908	6.00037
PHC1	4.39789	4.4954	3.97908	4.05006	5.04288
SLC30A7	2.22316	1.72302	2.50053	2.02911	2.16351
NUDT2	47.496	53.8706	52.5538	47.8473	49.0475
TRMT11	8.66747	6.06184	8.5406	7.27618	7.78055
PELI1	2.0099	1.78626	2.04687	1.76975	2.18626
BCR	9.79993	9.35739	8.96516	9.53991	9.42687
LOC100506023	0.0303851	0.0457461	0.0488599	0.0574087	0.0323818
USP47	6.26837	6.40617	5.53917	5.88717	6.88921
RNF125	2.26888	1.90553	2.29376	2.02895	2.34859
NOA1	37.9328	32.7943	47.732	41.7202	31.2283
KCNK6	13.7586	11.5922	10.9286	12.5894	11.378
ESRP1	0	0	0.0324671	0.0207538	0
TMEM41A	7.73639	9.98798	8.06162	7.78122	9.90457
CAST	37.825	32.2903	33.8396	33.5143	34.6228
NHSL1	0.775541	0.533135	0.996039	1.0742	0.536723
U2AF1	168.74	157.192	213.407	179.38	151.323
MARCH7	12.919	12.4209	13.1676	12.3591	12.6647
EML4	4.96828	4.29599	5.28113	5.15014	4.54183
DOT1L	8.98551	7.23075	7.62448	9.09561	7.55369
FAM53B	6.25476	5.80721	7.3708	6.36377	6.11505
GOLPH3	15.3168	17.722	18.4214	16.017	17.1389
STK38L	2.76314	2.65111	3.29039	2.8668	2.90769
XPO1	30.0977	26.4763	26.3096	28.1864	29.0447
DPAGT1	24.8382	19.7625	25.2933	24.238	22.12
TOMM20	51.3509	66.867	58.1912	50.307	66.4033
PNPLA4	6.75698	9.98523	9.01675	6.70609	9.77961

WDPCP	0.543713	0.439924	0.460729	0.500486	0.531607
CARKD	20.2661	23.5453	23.9882	22.4046	22.5671
TMPRSS13	0.0234434	0	0.0181194	0.0300029	0.0112869
MAPK8	8.75857	6.87555	8.28396	8.54117	6.9754
PLXNA2	0.362515	0.376661	0.458859	0.460381	0.351242
ATP6V1D	28.3536	29.2244	25.369	24.8867	30.1335
DNASE1L1	14.8817	17.261	14.5037	13.8139	17.4942
ZFP37	2.45987	2.51656	2.03632	2.13958	2.89511
CKMT1B	13.3036	15.2107	10.7478	12.0727	14.591
BMP1	8.51513	9.55751	6.95337	8.40114	8.76779
RNF130	45.6809	57.4609	48.0808	44.1049	56.9943
PTH1R	6.85756	5.89677	6.28695	6.1774	7.92618
TRAPPC6A	22.8444	34.854	35.9021	29.0815	28.0546
RASSF3	6.89845	6.44449	5.87166	6.62425	7.0301
GPR63	0.889212	0.835024	1.01723	0.992562	0.707217
NFKBIB	22.225	19.8402	26.8641	25.1602	18.1551
CSNK2B	231.057	233.565	245.236	243.697	206.771
PRKCSH	224.492	240.863	228.653	227.289	233.941
KLHL12	10.117	9.67147	10.4303	9.58772	9.95834
LINC00471	0.102621	0.114739	0.178125	0.0680916	0.107968
TAOK3	1.36735	1.07708	1.34943	1.37074	1.17394
DARS	54.1967	55.9553	66.4128	49.5276	63.1662
BRD8	12.2903	12.2996	11.6532	12.9777	11.7567
DDX47	31.2399	35.9809	29.5861	29.3489	36.2336
MGC39372	1.59739	2.41937	2.1053	2.11077	1.85035
SFSWAP	9.62676	9.43085	8.88631	9.53669	9.48945
ZNF689	3.17311	4.03615	3.8376	3.55078	3.69388
ISCA1	23.4495	29.6473	23.2174	21.3248	31.3575
ADPRHL1	3.14208	3.85531	3.82404	3.58328	3.56702
HIST1H3B	1.74108	0.62756	1.88181	0.786222	1.54421
MLLT6	15.9868	18.8531	16.7639	18.2729	17.0114
C12orf57	283.328	382.724	287.71	276.271	349.558
PPP1R12C	21.1123	17.6081	22.1702	22.9771	16.1901
DMKN	68.1973	88.7352	81.1987	68.8591	81.5154
EDC3	10.1327	9.5201	10.2525	10.057	9.71182
ALKBH2	30.5373	32.5099	35.2233	31.5407	30.1586
PRICKLE4	2.47096	2.37964	1.87582	2.72336	2
SNRNP25	25.8266	30.7799	25.1758	24.7178	29.8619
PHF6	4.04864	3.43217	4.37839	4.02434	3.87781
TMEM194A	6.47226	4.88092	7.66785	7.04011	5.4503
TFIP11	10.9598	12.8835	11.9547	11.399	12.6588
MBOAT7	96.151	102.789	88.8265	89.9833	105.765
SLC35E2	3.30638	3.3728	3.87247	3.4953	3.03518
SPPL2A	3.52743	2.78468	3.79222	4.02838	2.87821
CMTM4	11.9036	12.5343	12.0805	11.9476	12.0779
BCAS4	29.2593	23.12	28.6414	26.0203	24.2533
SARS2	17.3769	16.8176	15.2321	15.8835	17.5455
EMC7	81.4635	86.6494	89.9313	83.2133	84.1293
EBI3	0.342278	0.25671	0.684414	0.443305	0.237682
PDLIM7	93.4437	85.9824	84.9145	88.6623	90.4424
ABCB9	3.7592	4.51061	3.93959	3.73994	4.94051
WDR36	6.39895	6.45398	7.01976	6.37442	6.93318
CABIN1	10.1067	10.305	7.63472	8.80398	11.5491
HAUS3,POLN	1.65959	1.97905	1.72801	1.68978	2.04166
UPF3A	14.0852	14.2998	15.668	14.1164	15.143
USP20	11.8681	12.7387	13.1903	13.0056	12.7149
FANCL	10.2847	7.0921	9.19314	9.75144	7.58695
YTHDC1	5.34869	5.5988	5.09967	5.03789	5.90028
SSR4	387.737	506.957	387.848	365.66	473.359
ARFGEF1	4.60329	3.52136	4.51686	4.19439	4.14596
SNRK	0.496682	0.614183	0.472616	0.625045	0.536226
MFN1	5.66502	4.71235	6.91791	5.65197	5.14277
TMEM161A	55.9972	47.7125	51.035	55.4881	48.3942
MAMDC4	3.39549	3.20764	2.05195	3.46096	3.64012
GNAI3	15.2452	15.4785	14.8924	13.9865	16.5718
BAG3	32.3767	32.4389	24.8807	32.1813	30.3307
FAM136A	32.794	34.0604	35.2204	34.4374	33.9638
LARP4	2.87968	2.29471	3.23202	3.17091	2.21385
DNLZ	80.7927	100.828	81.848	83.525	87.939
CCDC142,MRPL53	105.095	94.9823	107.136	98.2328	96.9431
RPUSD3	70.1536	69.6929	59.9452	60.9623	72.9115
NDUFS3	97.4374	104.157	95.8884	95.4487	103.876
RNF11	14.9118	17.2375	17.141	14.728	17.7426
HPS6	14.0665	20.8139	17.9176	16.3747	18.8678
NUP98	7.57508	7.24863	8.25782	7.93927	6.99499
PTBP2	3.62154	4.01195	3.16077	3.33194	4.47959
GDF9	0.084614	0.191626	0.0456188	0.0604627	0.0648745
FNIP1	6.31641	6.17163	5.61131	5.49321	5.90247
EXOC6	3.1936	2.90698	3.01385	2.72819	3.34001

CABLES1	1.24293	1.39077	2.11298	1.82371	1.24512
GORASP2	30.7225	31.3426	35.9584	28.9729	34.3282
AGRN	14.1578	17.665	10.3406	13.707	17.0061
SLC29A2	17.43	13.8137	13.6041	16.8274	14.7357
FAT1	1.14454	1.1997	1.25618	1.28687	1.15241
HPSE	2.66634	2.39696	2.79716	2.53048	2.80108
FCER1G	0.550336	0.512985	0.749575	0.305328	0.638792
MSL3P1	3.44982	4.13902	5.64808	4.62088	3.78048
PHACTR2	2.04619	1.7362	1.80666	1.76794	1.94145
RHOBTB2	3.6428	3.99369	3.80757	3.60872	3.92643
RBM39	41.9479	46.9467	42.3121	42.0861	47.7357
CLU	44.72	44.6161	32.7888	38.745	46.843
SENP2	6.0143	7.37488	6.81466	6.37751	7.58476
ANKRD13C	2.08715	1.92079	1.77282	1.82798	2.12398
PRDX4	182.078	237.585	213.612	180.752	238.387
FAM188A	11.1997	10.3679	11.8067	10.4912	11.0929
SETD3	10.782	9.14379	11.501	10.462	10.1568
RPS20	3290.11	4392.55	3602.63	3289.94	3949.97
THOC2	4.20661	3.50312	3.33427	3.79656	3.78799
SNW1	36.973	31.9816	32.6784	35.7918	33.8612
PI4K2B	2.5051	2.97957	3.41983	3.12462	3.47602
PPM1H	1.54597	1.21755	1.66282	1.47889	1.39573
CELF1	23.2897	18.1689	19.835	22.839	18.9004
WWP1	6.5928	6.8798	6.75697	6.44055	7.24503
ETFB	93.1435	106.38	84.2545	87.5029	101.302
RAD51	7.25196	6.67964	8.00588	8.30747	6.18909
MAN2B2	10.4491	11.1251	10.2892	11.1426	9.9942
TRIM28	191.527	202.821	169.8	179.974	200.888
NPEPL1.STX16	35.8498	38.9841	32.4478	35.625	38.7217
ZAK	5.55552	4.83774	5.90712	5.39557	5.4067
NABP2	53.8603	52.4871	52.3729	53.1366	49.0043
SMYD4	2.03409	1.9588	2.21254	1.86761	1.89222
CHD5	0.0417847	0.0229858	0.0626547	0.052063	0.0508514
ZBED5	10.2191	10.4196	10.2024	9.21004	11.0567
LOC100129550	0.992083	1.06873	1.1471	0.901091	1.16896
SLC38A6	3.77931	4.16239	4.11085	3.71645	4.31661
ARHGAP27	7.26049	7.15082	6.35116	7.1395	6.70806
MRPL52	68.3385	76.8485	62.8473	67.8217	68.6703
ABI1	17.2752	16.0044	16.5107	15.721	16.2625
ZNF45	1.5607	1.87997	1.86407	1.53499	2.07707
CLASRP	21.8284	18.98	19.2286	21.497	18.9554
MRPL23-AS1	0.147373	0.0553091	0.0754106	0.105173	0.0254953
PISD	20.1366	22.8751	21.4253	21.2198	22.8831
IGFBP2	42.4876	48.4979	34.0108	41.4117	45.0342
NKAP	19.3416	19.338	18.1736	16.9915	21.2767
POLR3C	11.051	14.1732	16.9276	12.334	13.5591
TMEM9	65.5937	81.9593	62.3445	62.3443	84.2843
SLC25A19	22.1422	21.7251	27.3003	23.2808	22.1426
LOC441081	0.255339	0.293861	0.177225	0.270605	0.372904
HIST1H4H	4.18219	1.4323	4.73896	3.90721	1.83283
TRIM16L	4.6881	6.11341	4.85519	4.36976	5.57498
H19.MIR675	2.65143	2.89673	1.12347	1.65701	3.40431
CRIP1	7.87907	6.64442	7.80558	7.28813	7.80063
SPCS1	142.701	170.091	154.781	142.512	165.442
NAA16	2.4954	3.0522	2.39861	2.53281	3.26891
ABHD16A	27.5706	27.026	25.86	26.1443	27.4627
RRM2	44.3322	42.931	42.6622	47.6889	43.2086
ENSA	136.327	147.772	131.01	138.921	148.229
C6orf120	5.09791	6.0432	7.22833	5.69544	6.1404
C1orf123	28.0102	28.0107	28.6526	26.2399	27.6716
IGBP1	60.34	74.7879	69.3591	63.2666	67.0674
PSKH1	4.6953	7.19417	7.39057	5.62669	7.24293
ARMC1	10.2443	10.6483	11.7491	9.94037	11.137
PYROXD2	0.0488965	0.0436152	0.0592235	0.0544048	0.0398536
C16orf87	3.16833	2.96359	2.60168	2.30318	3.3781
MLF2	193.159	193.997	194.318	186.655	196.533
PGRMC1	93.6044	96.6672	91.6991	83.0183	109.872
ALG6	2.59667	2.1658	2.5905	2.77556	2.51092
SMAD9	3.75056	4.63205	2.96121	3.15679	4.89021
SEC11A	142.554	156.815	172.182	151.6	146.421
NAT1	1.28049	2.40027	1.65507	1.45585	2.29887
MGAT5	4.02703	3.95349	3.69766	3.83233	3.93013
FLOT1	97.579	111.522	110.968	101.999	106.017
ATP6V1C1	14.6079	14.1984	15.7954	14.3206	15.3074
PCBD1	205.257	206.609	198.358	202.464	193.186
ZNF32-AS1	17.4721	18.8362	19.7291	18.3435	19.0271
MUC1	4.26839	3.39917	4.11076	4.13897	3.82741
SCAF1	19.3643	15.9626	16.161	18.5133	16.0138
FAM134B	0.540027	0.415456	0.57958	0.645205	0.347791

MOB2	24.9322	23.4412	27.6012	24.9858	22.4676
POU5F1	0.0252905	0.140437	0.0919867	0.0798742	0.0883965
ATP5A1	260.002	263.793	278.481	256.984	273.057
COMMD5	51.597	62.8631	67.8157	57.7414	61.129
EBPL	123.308	133.276	131.935	114.632	138.173
PKNOX1	1.96779	1.96369	2.15374	2.12972	1.78413
GLRX5	43.8876	50.6468	49.0929	48.737	45.6446
RIOK1	14.2229	11.8201	12.8366	12.0619	13.9017
SLC9A6	1.93955	2.12597	2.09581	1.91112	2.31487
KIF22	71.6852	54.2598	62.9613	73.2287	50.2449
VDAC3	101.425	107.966	106.88	91.949	117.976
TRAM2	2.43135	2.66995	2.73845	2.4193	2.74513
IKBIP	13.0291	13.8626	11.5951	11.5786	13.8755
ENOPH1	18.4124	17.6409	20.372	17.9885	18.4475
DGKZ	27.0538	21.2135	27.7482	27.7987	21.2674
EIF2B3	6.53089	5.66536	6.90552	7.06807	6.07174
MTO1	5.61645	5.09887	6.63079	6.0787	5.46337
FAM91A2.LINC00623	4.26674	3.89496	5.34707	4.7598	4.26758
ZNF510	1.51466	1.80555	1.55324	1.53301	1.94042
FAM45A	6.18374	7.70485	7.53925	6.05127	8.14405
DHRS7B	10.3261	10.2682	11.2707	10.6349	10.8253
LOC100506083	0.268754	0.189538	0.380816	0.286279	0.178815
KAT7	10.5121	9.83412	8.37499	10.1412	10.0116
TMEM205	92.7442	107.226	88.9863	92.6568	106.022
PTGER4P2-CDK2AP2P2	0.0536331	0.0101012	0.103971	0.056414	0.0385978
ATG4C	2.33657	2.06882	2.15163	2.10078	2.46596
DEXI	32.205	29.0128	31.1261	30.5255	30.5978
ARPC2	200.912	202.639	207.323	191.603	209.908
COPS8	31.5962	31.4054	29.7377	28.5682	34.6462
RAMP1	47.4847	45.8405	43.8675	45.3659	45.4349
C16orf58	43.0832	47.1615	42.0031	42.743	45.1924
ATP2A1	1.28536	1.70713	0.795531	1.47748	1.38483
NHLRC3	3.72355	2.30128	3.38893	3.43188	2.48953
SPATA24	1.7125	2.22388	1.57022	1.68458	1.65331
RMND5B	21.2319	19.3047	20.5187	20.547	17.6005
TMX4	6.31993	7.48059	5.90876	6.256	6.95794
PATZ1	21.4315	19.3095	20.1731	21.3217	18.5613
MIS18A	17.1163	12.8421	17.7872	18.4366	13.288
TCP11L1	3.96952	3.67027	3.34714	3.58722	3.39057
CXorf38	2.88327	2.47768	2.05794	2.55055	2.62087
PTPN4	0.530071	0.515031	0.69193	0.623583	0.489071
KRT8	21.9418	22.2725	22.9395	22.6426	19.1691
RIN3	11.1142	11.6177	10.6078	11.1108	11.6479
PLXNA1	7.05818	6.94318	6.48597	7.47445	6.56284
CPSF7	14.6086	16.6386	15.7298	16.0772	15.7642
RAB2B	4.11119	3.71032	3.58794	3.55899	3.94154
THAP10	0.808504	0.332643	1.4312	0.841119	0.680379
PCBP1	202.4	192.864	192.248	188.534	192.585
PRDX5	367.144	362.585	400.485	378.217	341.497
RPS12	7528.24	10933.8	7990.25	7563.4	9459.97
PUM2	13.717	11.0973	13.5535	12.6128	12.1212
VDAC2	178.254	192.518	178.497	169.921	193.972
LOC100507373	0.453129	0.586569	0.414674	0.424052	0.648687
ZFAS1	572.181	831.273	640.762	577.839	722.949
NELFCD	40.5123	40.0061	35.9009	36.735	41.6601
CRCP	10.5379	10.9647	12.2327	10.6685	11.183
SUPT7L	9.39083	9.8663	9.86996	9.88289	9.9005
TCEAL8	40.7596	45.0453	45.3757	39.8526	47.6452
PLEKHO2	4.84806	5.27109	4.62172	4.42488	5.09882
NFYA	3.74957	4.30207	3.50506	3.93846	4.0554
RAD17	7.57129	7.33927	8.49413	7.72964	7.81059
BPTF	1.81792	1.59275	1.48007	1.61653	1.74828
FBXO38	7.46858	6.73837	5.86999	6.8465	6.93347
CD2AP	6.35463	5.21797	5.87325	5.59654	6.13749
POR	45.3875	40.86	44.8619	43.7135	42.6194
SNRNP27	22.369	19.8369	19.6896	19.989	22.3854
ALG11.UTP14C	1.75542	2.15323	1.7018	1.71405	2.08911
CMIP	9.80577	9.38006	7.73065	8.03807	10.289
ARHGEF12	5.00191	5.27656	5.14378	4.93689	5.22402
IPO5	25.8456	28.6576	29.364	25.4397	31.0505
DDAH1	24.0656	18.7725	19.1397	19.9664	23.1487
TIPRL	10.1406	9.24411	10.4707	9.02387	9.96987
CYB5R3	53.7946	56.9847	52.5382	53.46	57.5983
DICER1	1.74229	1.91344	1.56902	1.69229	1.78706
ZNF226	5.49826	6.56092	3.34333	5.2891	6.59272
GPATCH1	1.86322	1.96298	1.78913	1.78417	2.14221
PCYT1A	6.45757	5.09688	8.25634	7.78336	5.48928
OR4F5	0	0	0	0	0
OR4F3	0	0	0	0	0

LOC254099	0	0	0	0	0
MIR200B	0	0	0	0	0
MIR200A	0	0	0	0	0
MIR429	0	0	0	0	0
TLL10	0	0	0	0	0
TMEM88B	0	0	0	0	0
MMP23A	0	0	0	0	0
GABRD	0	0	0	0	0
ACTRT2	0	0	0	0	0
MIR4251	0	0	0	0	0
CCDC27	0	0	0	0	0
LOC728716	0	0	0	0	0
LOC284661	0	0	0	0	0
AJAP1	0	0	0	0	0
MIR4417	0	0	0	0	0
HES3	0	0	0	0	0
CA6	0	0	0	0	0
MTOR-AS1	0	0	0	0	0
ANGPTL7	0	0	0	0	0
PTCHD2	0	0	0	0	0
DRAXIN	0	0	0	0	0
SNORA59A	0	0	0	0	0
AADAACL4	0	0	0	0	0
AADAACL3	0	0	0	0	0
C1orf158	0	0	0	0	0
PRAMEF12	0	0	0	0	0
PRAMEF1	0	0	0	0	0
PRAMEF2	0	0	0	0	0
PRAMEF7,PRAMEF8	0	0	0	0	0
PRAMEF22	0	0	0	0	0
PRAMEF5	0	0	0	0	0
PRAMEF9	0	0	0	0	0
PRAMEF16	0	0	0	0	0
PRAMEF20,PRAMEF21	0	0	0	0	0
PRAMEF9	0	0	0	0	0
PRAMEF17	0	0	0	0	0
PRAMEF20,PRAMEF21	0	0	0	0	0
PDPN	0	0	0	0	0
CELA2A	0	0	0	0	0
CELA2B	0	0	0	0	0
TMEM82	0	0	0	0	0
C1orf64	0	0	0	0	0
CLCNKB	0	0	0	0	0
MIR3675	0	0	0	0	0
MIR3675	0	0	0	0	0
PADI6	0	0	0	0	0
IGSF21	0	0	0	0	0
KLHDC7A	0	0	0	0	0
PAX7	0	0	0	0	0
HTR6	0	0	0	0	0
PLA2G5	0	0	0	0	0
PLA2G2F	0	0	0	0	0
UBXN10	0	0	0	0	0
FAM43B	0	0	0	0	0
CELA3B	0	0	0	0	0
CELA3A	0	0	0	0	0
C1QA	0	0	0	0	0
C1QC	0	0	0	0	0
C1QB	0	0	0	0	0
MIR4684	0	0	0	0	0
MIR3115	0	0	0	0	0
MIR378F	0	0	0	0	0
LOC284632	0	0	0	0	0
CATSPER4	0	0	0	0	0
MIR1976	0	0	0	0	0
RAB42	0	0	0	0	0
OPRD1	0	0	0	0	0
LOC149086	0	0	0	0	0
LOC284551	0	0	0	0	0
LCK	0	0	0	0	0
ZBTB8B	0	0	0	0	0
HMGB4	0	0	0	0	0
LOC402779	0	0	0	0	0
C1orf94	0	0	0	0	0
GJB4	0	0	0	0	0
GJA4	0	0	0	0	0
MIR4255	0	0	0	0	0
MIR3659	0	0	0	0	0
MIR30E	0	0	0	0	0

MIR30C1	0	0	0	0	0
GUCA2B	0	0	0	0	0
FAM183A	0	0	0	0	0
TMEM125	0	0	0	0	0
KLF17	0	0	0	0	0
MIR5584	0	0	0	0	0
SNORD38A	0	0	0	0	0
SNORD38B	0	0	0	0	0
EFCAB14-AS1	0	0	0	0	0
CYP4B1	0	0	0	0	0
CYP4X1	0	0	0	0	0
CYP4Z1	0	0	0	0	0
CYP4A22	0	0	0	0	0
SLC5A9	0	0	0	0	0
ELAVL4	0	0	0	0	0
C1orf185	0	0	0	0	0
PODN	0	0	0	0	0
DMRTB1	0	0	0	0	0
MIR4781	0	0	0	0	0
C1orf177	0	0	0	0	0
MIR4422	0	0	0	0	0
C8A	0	0	0	0	0
MGC34796	0	0	0	0	0
UBE2U	0	0	0	0	0
MIR4794	0	0	0	0	0
MIR3117	0	0	0	0	0
TCTEX1D1	0	0	0	0	0
PIN1P1	0	0	0	0	0
LHX8	0	0	0	0	0
SNORD45C	0	0	0	0	0
SNORD45A	0	0	0	0	0
SNORD45B	0	0	0	0	0
ST6GALNAC5	0	0	0	0	0
AK5	0	0	0	0	0
MGC27382	0	0	0	0	0
PTGFR	0	0	0	0	0
IFI44L	0	0	0	0	0
LPHN2	0	0	0	0	0
PRKACB	0	0	0	0	0
MIR4423	0	0	0	0	0
CLCA4	0	0	0	0	0
CLCA3P	0	0	0	0	0
GBP6	0	0	0	0	0
GBP1P1	0	0	0	0	0
BRDT	0	0	0	0	0
C1orf146	0	0	0	0	0
SNORA66	0	0	0	0	0
MIR760	0	0	0	0	0
DPYD-AS1	0	0	0	0	0
LOC729987	0	0	0	0	0
LOC100129620	0	0	0	0	0
LPPR4	0	0	0	0	0
PALMD	0	0	0	0	0
MIR553	0	0	0	0	0
GPR88	0	0	0	0	0
VCAM1	0	0	0	0	0
S1PR1	0	0	0	0	0
DNAJA1P5	0	0	0	0	0
AMY2A	0	0	0	0	0
AMY1A	0	0	0	0	0
AMY1A	0	0	0	0	0
NTNG1	0	0	0	0	0
VAV3-AS1	0	0	0	0	0
NBPF6	0	0	0	0	0
MIR197	0	0	0	0	0
CYMP	0	0	0	0	0
CD53	0	0	0	0	0
CHI3L2	0	0	0	0	0
CHIA	0	0	0	0	0
PIFO	0	0	0	0	0
SYCP1	0	0	0	0	0
TSHB	0	0	0	0	0
MIR320B1	0	0	0	0	0
CD2	0	0	0	0	0
MIR942	0	0	0	0	0
HAO2	0	0	0	0	0
HSD3B1	0	0	0	0	0
HIST2H2BA	0	0	0	0	0
EMBP1	0	0	0	0	0

GPR89C	0	0	0	0	0
GJA8	0	0	0	0	0
PPIAL4E	0	0	0	0	0
PPIAL4D	0	0	0	0	0
FCGR1C	0	0	0	0	0
PPIAL4B	0	0	0	0	0
FCGR1A	0	0	0	0	0
HIST2H4B	0	0	0	0	0
HIST2H2AA3	0	0	0	0	0
HIST2H3C	0	0	0	0	0
MIR4257	0	0	0	0	0
MIR554	0	0	0	0	0
RIAD1	0	0	0	0	0
LOC100132111	0	0	0	0	0
LCE5A	0	0	0	0	0
CRCT1	0	0	0	0	0
LCE3C	0	0	0	0	0
LCE3B	0	0	0	0	0
LCE2D	0	0	0	0	0
LCE2C	0	0	0	0	0
LCE2B	0	0	0	0	0
LCE2A	0	0	0	0	0
LCE4A	0	0	0	0	0
C1orf68	0	0	0	0	0
KPRP	0	0	0	0	0
LCE1A	0	0	0	0	0
LCE6A	0	0	0	0	0
SMCP	0	0	0	0	0
IVL	0	0	0	0	0
SPRR4	0	0	0	0	0
SPRR1A	0	0	0	0	0
SPRR3	0	0	0	0	0
SPRR1B	0	0	0	0	0
LELP1	0	0	0	0	0
LOR	0	0	0	0	0
S100A9	0	0	0	0	0
S100A7A	0	0	0	0	0
AQP10	0	0	0	0	0
MIR4258	0	0	0	0	0
MIR92B	0	0	0	0	0
TTC24	0	0	0	0	0
CYCSP52	0	0	0	0	0
CD1D	0	0	0	0	0
CD1A	0	0	0	0	0
CD1C	0	0	0	0	0
CD1E	0	0	0	0	0
OR10K1	0	0	0	0	0
OR10R2	0	0	0	0	0
OR10Z1	0	0	0	0	0
OR6K6	0	0	0	0	0
MNDA	0	0	0	0	0
PYHIN1	0	0	0	0	0
CADM3	0	0	0	0	0
DARC	0	0	0	0	0
FCER1A	0	0	0	0	0
OR10J1	0	0	0	0	0
APCS	0	0	0	0	0
FCRL6	0	0	0	0	0
LOC100505633	0	0	0	0	0
ATP1A2	0	0	0	0	0
ATP1A4	0	0	0	0	0
LY9	0	0	0	0	0
PCP4L1	0	0	0	0	0
MIR4654	0	0	0	0	0
MIR556	0	0	0	0	0
LRRC52	0	0	0	0	0
LOC440700	0	0	0	0	0
FMO9P	0	0	0	0	0
DUSP27	0	0	0	0	0
MIR557	0	0	0	0	0
XCL1	0	0	0	0	0
LINC00626	0	0	0	0	0
METTL11B	0	0	0	0	0
PRRX1	0	0	0	0	0
MROH9	0	0	0	0	0
FMO3	0	0	0	0	0
MIR1295B	0	0	0	0	0
FMO6P	0	0	0	0	0
FMO2	0	0	0	0	0

FMO1	0	0	0	0	0
MIR3120	0	0	0	0	0
C1orf105	0	0	0	0	0
FASLG	0	0	0	0	0
LOC730159	0	0	0	0	0
TNN	0	0	0	0	0
FAM5B	0	0	0	0	0
TEX35	0	0	0	0	0
MIR4424	0	0	0	0	0
GM140	0	0	0	0	0
CACNA1E	0	0	0	0	0
LINC00272	0	0	0	0	0
RGSL1	0	0	0	0	0
LOC284648	0	0	0	0	0
HMCN1	0	0	0	0	0
LOC440704	0	0	0	0	0
RGS18	0	0	0	0	0
RGS21	0	0	0	0	0
RGS1	0	0	0	0	0
RGS13	0	0	0	0	0
MIR1278	0	0	0	0	0
CFH	0	0	0	0	0
CFHR3	0	0	0	0	0
CFHR4	0	0	0	0	0
CFHR2	0	0	0	0	0
CFHR5	0	0	0	0	0
LHX9	0	0	0	0	0
MIR5191	0	0	0	0	0
MIR1231	0	0	0	0	0
GPR37L1	0	0	0	0	0
OPTC	0	0	0	0	0
AVPR1B	0	0	0	0	0
CTSE	0	0	0	0	0
IL20	0	0	0	0	0
C4BPB	0	0	0	0	0
C4BPA	0	0	0	0	0
CR2	0	0	0	0	0
CR1L	0	0	0	0	0
MIR205HG	0	0	0	0	0
SYT14	0	0	0	0	0
SERTAD4	0	0	0	0	0
MIR3122	0	0	0	0	0
SNORA16B	0	0	0	0	0
KCNK2	0	0	0	0	0
LINC00210	0	0	0	0	0
RNU5F-1	0	0	0	0	0
MARK1	0	0	0	0	0
C1orf65	0	0	0	0	0
PRSS38	0	0	0	0	0
WNT3A	0	0	0	0	0
MIR3620	0	0	0	0	0
MIR4666A	0	0	0	0	0
CAPN9	0	0	0	0	0
MAP10	0	0	0	0	0
MIR4427	0	0	0	0	0
MIR4671	0	0	0	0	0
ACTN2	0	0	0	0	0
LOC100130331	0	0	0	0	0
RPS7P5	0	0	0	0	0
FMN2	0	0	0	0	0
MIR3123	0	0	0	0	0
WDR64	0	0	0	0	0
MIR4677	0	0	0	0	0
LOC339529	0	0	0	0	0
C1orf100	0	0	0	0	0
OR2W5	0	0	0	0	0
GCSAML	0	0	0	0	0
OR2G2	0	0	0	0	0
OR2G3	0	0	0	0	0
OR2W3	0	0	0	0	0
OR2T8	0	0	0	0	0
OR2L13	0	0	0	0	0
OR2L8	0	0	0	0	0
OR2AK2	0	0	0	0	0
OR2L1P	0	0	0	0	0
OR2L5	0	0	0	0	0
OR2L2	0	0	0	0	0
OR2L3	0	0	0	0	0
OR2M1P	0	0	0	0	0

OR2M5	0	0	0	0	0
OR2M2	0	0	0	0	0
OR2M3	0	0	0	0	0
OR2M4	0	0	0	0	0
OR14C36	0	0	0	0	0
OR2T4	0	0	0	0	0
OR2T6	0	0	0	0	0
OR2T1	0	0	0	0	0
OR2T2	0	0	0	0	0
OR2T3	0	0	0	0	0
OR2T5	0	0	0	0	0
OR2G6	0	0	0	0	0
MIR3124	0	0	0	0	0
FAM138F	0	0	0	0	0
OR4F3	0	0	0	0	0
TNFRSF18	0	0	0	0	0
HES5	0	0	0	0	0
MIR551A	0	0	0	0	0
MIR4689	0	0	0	0	0
MIR4252	0	0	0	0	0
MIR34A	0	0	0	0	0
C1orf200	0	0	0	0	0
C1orf127	0	0	0	0	0
PRAMEF11	0	0	0	0	0
HNRNPCL1,LOC649330	0	0	0	0	0
PRAMEF4	0	0	0	0	0
PRAMEF10	0	0	0	0	0
PRAMEF6	0	0	0	0	0
PRAMEF5	0	0	0	0	0
LOC440563	0	0	0	0	0
PRAMEF3	0	0	0	0	0
PRAMEF8	0	0	0	0	0
PRAMEF13,PRAMEF14	0	0	0	0	0
PRAMEF18	0	0	0	0	0
PRAMEF7,PRAMEF8	0	0	0	0	0
PRAMEF14	0	0	0	0	0
PRAMEF18	0	0	0	0	0
LRRC38	0	0	0	0	0
HSPB7	0	0	0	0	0
ESPNP	0	0	0	0	0
MIR3675	0	0	0	0	0
PADI2	0	0	0	0	0
TAS1R2	0	0	0	0	0
MIR4695	0	0	0	0	0
RNF186	0	0	0	0	0
PLA2G2E	0	0	0	0	0
PLA2G2A	0	0	0	0	0
PLA2G2C	0	0	0	0	0
MIR4253	0	0	0	0	0
CNR2	0	0	0	0	0
SLC30A2	0	0	0	0	0
TRIM63	0	0	0	0	0
AIM1L	0	0	0	0	0
ZNF683	0	0	0	0	0
CD164L2	0	0	0	0	0
FGR	0	0	0	0	0
SNORD99	0	0	0	0	0
MIR4420	0	0	0	0	0
SNORD103A	0	0	0	0	0
SNORD103A	0	0	0	0	0
SNORD85	0	0	0	0	0
MIR4254	0	0	0	0	0
CSF3R	0	0	0	0	0
GRIK3	0	0	0	0	0
MIR5581	0	0	0	0	0
RSPO1	0	0	0	0	0
LOC339442	0	0	0	0	0
SNORA55	0	0	0	0	0
NT5C1A	0	0	0	0	0
GUCA2A	0	0	0	0	0
CLDN19	0	0	0	0	0
KNCN	0	0	0	0	0
CYP4Z2P	0	0	0	0	0
PDZK1IP1	0	0	0	0	0
SKINTL	0	0	0	0	0
AGBL4	0	0	0	0	0
BEND5	0	0	0	0	0
SLC25A3P1	0	0	0	0	0
LDLRAD1	0	0	0	0	0

TTC22	0	0	0	0	0
C1orf168	0	0	0	0	0
C8B	0	0	0	0	0
DAB1	0	0	0	0	0
MIR4711	0	0	0	0	0
CYP2J2	0	0	0	0	0
C1orf87	0	0	0	0	0
KANK4	0	0	0	0	0
MIR3671	0	0	0	0	0
MIR101-1	0	0	0	0	0
MIR1262	0	0	0	0	0
RPE65	0	0	0	0	0
MIR186	0	0	0	0	0
NEGR1	0	0	0	0	0
NEGR1-IT1	0	0	0	0	0
C1orf173	0	0	0	0	0
SLC44A5	0	0	0	0	0
ASB17	0	0	0	0	0
ELTD1	0	0	0	0	0
MIR548AP	0	0	0	0	0
LOC100505768	0	0	0	0	0
GBP7	0	0	0	0	0
GBP5	0	0	0	0	0
BARHL2	0	0	0	0	0
HFM1	0	0	0	0	0
MIR137_MIR137HG	0	0	0	0	0
MIR2682	0	0	0	0	0
LPPR5	0	0	0	0	0
LOC100128787	0	0	0	0	0
RNU6-6	0	0	0	0	0
OLFM3	0	0	0	0	0
COL11A1	0	0	0	0	0
AMY1A	0	0	0	0	0
VAV3	0	0	0	0	0
NBPF4	0	0	0	0	0
HENMT1	0	0	0	0	0
EPS8L3	0	0	0	0	0
KCNA10	0	0	0	0	0
KCNA2	0	0	0	0	0
KCNA3	0	0	0	0	0
PGCP1	0	0	0	0	0
MIR4256	0	0	0	0	0
LOC643441	0	0	0	0	0
SYT6	0	0	0	0	0
DENND2C	0	0	0	0	0
TSPAN2	0	0	0	0	0
NGF	0	0	0	0	0
SPAG17	0	0	0	0	0
HMGCS2	0	0	0	0	0
ADAM30	0	0	0	0	0
PPIAL4B	0	0	0	0	0
LOC653513	0	0	0	0	0
PDZK1P1	0	0	0	0	0
PDZK1P1	0	0	0	0	0
MIR5087	0	0	0	0	0
FLJ39739	0	0	0	0	0
PPIAL4B	0	0	0	0	0
PPIAL4D	0	0	0	0	0
HIST2H3A	0	0	0	0	0
HIST2H2AA3	0	0	0	0	0
HIST2H4A	0	0	0	0	0
HORMAD1	0	0	0	0	0
SELENBP1	0	0	0	0	0
LINGO4	0	0	0	0	0
C2CD4D	0	0	0	0	0
THEM5	0	0	0	0	0
TCHHL1	0	0	0	0	0
TCHH	0	0	0	0	0
RPTN	0	0	0	0	0
FLG2	0	0	0	0	0
CRNN	0	0	0	0	0
LCE3E	0	0	0	0	0
LCE3D	0	0	0	0	0
LCE3A	0	0	0	0	0
SPRR2D	0	0	0	0	0
SPRR2A	0	0	0	0	0
SPRR2B	0	0	0	0	0
SPRR2E	0	0	0	0	0
SPRR2F	0	0	0	0	0

SPRR2C	0	0	0	0	0
SPRR2G	0	0	0	0	0
PGLYRP3	0	0	0	0	0
PGLYRP4	0	0	0	0	0
S100A12	0	0	0	0	0
S100A8	0	0	0	0	0
S100A7L2	0	0	0	0	0
S100A7	0	0	0	0	0
MIR190B	0	0	0	0	0
SNORA42	0	0	0	0	0
VHLL	0	0	0	0	0
MIR9-1	0	0	0	0	0
INSRR	0	0	0	0	0
MIR765	0	0	0	0	0
ETV3L	0	0	0	0	0
FCRL5	0	0	0	0	0
FCRL4	0	0	0	0	0
FCRL3	0	0	0	0	0
FCRL2	0	0	0	0	0
FCRL1	0	0	0	0	0
CD5L	0	0	0	0	0
LOC646268	0	0	0	0	0
CD1B	0	0	0	0	0
OR10T2	0	0	0	0	0
OR10K2	0	0	0	0	0
OR6Y1	0	0	0	0	0
OR6P1	0	0	0	0	0
OR10X1	0	0	0	0	0
SPTA1	0	0	0	0	0
OR6K2	0	0	0	0	0
OR6K3	0	0	0	0	0
OR6N1	0	0	0	0	0
OR6N2	0	0	0	0	0
AIM2	0	0	0	0	0
LOC100131825	0	0	0	0	0
OR10J3	0	0	0	0	0
OR10J5	0	0	0	0	0
CRP	0	0	0	0	0
IGSF9	0	0	0	0	0
SLAMF9	0	0	0	0	0
SLAMF6	0	0	0	0	0
SLAMF1	0	0	0	0	0
CD48	0	0	0	0	0
CD244	0	0	0	0	0
ITLN1	0	0	0	0	0
ITLN2	0	0	0	0	0
MPZ	0	0	0	0	0
FCGR3B	0	0	0	0	0
SH2D1B	0	0	0	0	0
LOC100505795	0	0	0	0	0
LMX1A	0	0	0	0	0
RXRG	0	0	0	0	0
MIR921	0	0	0	0	0
ADCY10	0	0	0	0	0
XCL2	0	0	0	0	0
DPT	0	0	0	0	0
SELP	0	0	0	0	0
MIR3119-1	0	0	0	0	0
LOC284688	0	0	0	0	0
MIR1295A	0	0	0	0	0
MYOC	0	0	0	0	0
DNM3OS	0	0	0	0	0
TNFSF18	0	0	0	0	0
SLC9C2	0	0	0	0	0
SNORD81	0	0	0	0	0
SNORD80	0	0	0	0	0
SNORD79	0	0	0	0	0
SNORD78	0	0	0	0	0
SNORD44	0	0	0	0	0
SNORD77	0	0	0	0	0
SNORD75	0	0	0	0	0
SNORD74	0	0	0	0	0
TNR	0	0	0	0	0
MIR488	0	0	0	0	0
LOC730102	0	0	0	0	0
MIR3121	0	0	0	0	0
RGS8	0	0	0	0	0
SHCBP1L	0	0	0	0	0
NCF2	0	0	0	0	0

LOC100288079	0	0	0	0	0
MIR548F1	0	0	0	0	0
PTGS2	0	0	0	0	0
FAM5C	0	0	0	0	0
KCNT2	0	0	0	0	0
MIR4735	0	0	0	0	0
DENND1B	0	0	0	0	0
ATP6V1G3	0	0	0	0	0
MIR181B1	0	0	0	0	0
MIR181A1	0	0	0	0	0
CACNA1S	0	0	0	0	0
TNNT2	0	0	0	0	0
LAD1	0	0	0	0	0
TNNI1	0	0	0	0	0
RNU6-79	0	0	0	0	0
LOC401980	0	0	0	0	0
MYBPH	0	0	0	0	0
CHI3L1	0	0	0	0	0
CHIT1	0	0	0	0	0
FMOD	0	0	0	0	0
LINC00303	0	0	0	0	0
KLHDC8A	0	0	0	0	0
MIR135B	0	0	0	0	0
PM20D1	0	0	0	0	0
SLC26A9	0	0	0	0	0
C1orf186	0	0	0	0	0
FAIM3	0	0	0	0	0
FCAMR	0	0	0	0	0
MIR29B2	0	0	0	0	0
ESRRG	0	0	0	0	0
LOC728463	0	0	0	0	0
SLC30A10	0	0	0	0	0
MIR215	0	0	0	0	0
MIR194-1	0	0	0	0	0
MIR664,SNORA36B	0	0	0	0	0
C1orf140	0	0	0	0	0
MIR320B2	0	0	0	0	0
MIR4742	0	0	0	0	0
LEFTY1	0	0	0	0	0
LEFTY2	0	0	0	0	0
ZNF847P	0	0	0	0	0
WNT9A	0	0	0	0	0
MIR5008	0	0	0	0	0
HIST3H3	0	0	0	0	0
PGBD5	0	0	0	0	0
LOC149373	0	0	0	0	0
SNRPD2P2	0	0	0	0	0
LINC00582	0	0	0	0	0
MIR4753	0	0	0	0	0
MIR1537	0	0	0	0	0
NID1	0	0	0	0	0
MT1P2	0	0	0	0	0
ZP4	0	0	0	0	0
LOC339535	0	0	0	0	0
GREM2	0	0	0	0	0
RGS7	0	0	0	0	0
PLD5	0	0	0	0	0
LOC255654	0	0	0	0	0
MIR3916	0	0	0	0	0
OR2B11	0	0	0	0	0
OR2C3	0	0	0	0	0
OR13G1	0	0	0	0	0
OR6F1	0	0	0	0	0
OR1C1	0	0	0	0	0
OR14A16	0	0	0	0	0
OR11L1	0	0	0	0	0
OR2T33	0	0	0	0	0
OR2T12	0	0	0	0	0
OR2M7	0	0	0	0	0
OR2T29	0	0	0	0	0
OR2T34	0	0	0	0	0
OR2T10	0	0	0	0	0
OR2T11	0	0	0	0	0
OR2T35	0	0	0	0	0
OR2T27	0	0	0	0	0
OR14I1	0	0	0	0	0
LYPD8	0	0	0	0	0
LINC00200	0	0	0	0	0
ADARB2-AS1	0	0	0	0	0

LINC00705	0	0	0	0	0
AKR1E2	0	0	0	0	0
AKR1C1	0	0	0	0	0
AKR1C4	0	0	0	0	0
UCN3	0	0	0	0	0
CALML3	0	0	0	0	0
MIR3155A	0	0	0	0	0
ECHDC3	0	0	0	0	0
MIR4480	0	0	0	0	0
MIR1265	0	0	0	0	0
ST8SIA6-AS1	0	0	0	0	0
MIR511-1	0	0	0	0	0
MRC1	0	0	0	0	0
MIR511-2	0	0	0	0	0
SLC39A12	0	0	0	0	0
PLXDC2	0	0	0	0	0
MIR4675	0	0	0	0	0
NEBL-AS1	0	0	0	0	0
LOC100130992	0	0	0	0	0
ARMC3	0	0	0	0	0
PTF1A	0	0	0	0	0
MIR603	0	0	0	0	0
MYO3A	0	0	0	0	0
GAD2	0	0	0	0	0
APBB1IP	0	0	0	0	0
LINC00202-2	0	0	0	0	0
MIR5586	0	0	0	0	0
LYZL1	0	0	0	0	0
ANKRD30A	0	0	0	0	0
ACTR3BP5	0	0	0	0	0
MIR5100	0	0	0	0	0
LINC00619	0	0	0	0	0
LINC00840	0	0	0	0	0
LINC00841	0	0	0	0	0
LOC100130539	0	0	0	0	0
TMEM72	0	0	0	0	0
ANKRD30BP3	0	0	0	0	0
MIR3156-1	0	0	0	0	0
PPYR1	0	0	0	0	0
ANXA8L2	0	0	0	0	0
BMS1P2	0	0	0	0	0
FAM25C	0	0	0	0	0
ANXA8	0	0	0	0	0
FAM170B-AS1	0	0	0	0	0
C10orf71	0	0	0	0	0
CHAT	0	0	0	0	0
SLC18A3	0	0	0	0	0
C10orf53	0	0	0	0	0
PRKG1	0	0	0	0	0
MIR605	0	0	0	0	0
DKK1	0	0	0	0	0
BICC1	0	0	0	0	0
PHYHIPL	0	0	0	0	0
C10orf107	0	0	0	0	0
MIR548AV	0	0	0	0	0
ANXA2P3	0	0	0	0	0
LRRTM3	0	0	0	0	0
SNORD98	0	0	0	0	0
SRGN	0	0	0	0	0
CHST3	0	0	0	0	0
MIR4676	0	0	0	0	0
OIT3	0	0	0	0	0
ZNF503-AS1	0	0	0	0	0
LINC00856	0	0	0	0	0
SFTPA1	0	0	0	0	0
LOC100288974,MBL1P	0	0	0	0	0
PLAC9	0	0	0	0	0
NRG3	0	0	0	0	0
C10orf99	0	0	0	0	0
CDHR1	0	0	0	0	0
RGR	0	0	0	0	0
LINC00858	0	0	0	0	0
GRID1-AS1	0	0	0	0	0
FAM25A	0	0	0	0	0
MIR4678	0	0	0	0	0
LIPJ	0	0	0	0	0
LIPF	0	0	0	0	0
LIPK	0	0	0	0	0
LIPN	0	0	0	0	0

LIPM	0	0	0	0	0
MIR4679-1	0	0	0	0	0
IFIT1B	0	0	0	0	0
LOC643529	0	0	0	0	0
LINC00502	0	0	0	0	0
HHEX	0	0	0	0	0
CYP26C1	0	0	0	0	0
PDE6C	0	0	0	0	0
LGI1	0	0	0	0	0
C10orf129	0	0	0	0	0
DNMT	0	0	0	0	0
LOC100505540	0	0	0	0	0
ANKRD2	0	0	0	0	0
MIR5692C2	0	0	0	0	0
NKX2-3	0	0	0	0	0
MIR608	0	0	0	0	0
FLJ41350	0	0	0	0	0
MIR146B	0	0	0	0	0
LOC729020	0	0	0	0	0
INA	0	0	0	0	0
SORCS3	0	0	0	0	0
RNU6-53	0	0	0	0	0
RBM20	0	0	0	0	0
TECTB	0	0	0	0	0
MIR4295	0	0	0	0	0
TDRD1	0	0	0	0	0
VWA2	0	0	0	0	0
ATRNL1	0	0	0	0	0
CCDC172	0	0	0	0	0
PNLIPRP3	0	0	0	0	0
PNLIP	0	0	0	0	0
KCNK18	0	0	0	0	0
EMX2	0	0	0	0	0
MIR4681	0	0	0	0	0
MIR4682	0	0	0	0	0
PPAPDC1A	0	0	0	0	0
MIR5694	0	0	0	0	0
MIR3941	0	0	0	0	0
FAM24A	0	0	0	0	0
HMX2	0	0	0	0	0
GPR26	0	0	0	0	0
LOC100169752	0	0	0	0	0
NPS	0	0	0	0	0
FOXI2	0	0	0	0	0
LOC399829	0	0	0	0	0
GPR123	0	0	0	0	0
UTF1	0	0	0	0	0
DUX2,DUX4,DUX4L2	0	0	0	0	0
MIR5699	0	0	0	0	0
ADARB2	0	0	0	0	0
LINC00700	0	0	0	0	0
LINC00701	0	0	0	0	0
AKR1C6P	0	0	0	0	0
AKR1C2	0	0	0	0	0
AKR1CL1	0	0	0	0	0
CALML5	0	0	0	0	0
IL2RA	0	0	0	0	0
MIR3155B	0	0	0	0	0
GATA3-AS1	0	0	0	0	0
LINC00710	0	0	0	0	0
CELF2-AS2	0	0	0	0	0
UCMA	0	0	0	0	0
ITGA8	0	0	0	0	0
LOC100129213	0	0	0	0	0
C10orf113	0	0	0	0	0
MIR1915	0	0	0	0	0
EBLN1	0	0	0	0	0
C10orf67	0	0	0	0	0
GPR158-AS1	0	0	0	0	0
PTCHD3	0	0	0	0	0
MKX	0	0	0	0	0
LINC00837	0	0	0	0	0
MIR604	0	0	0	0	0
MIR938	0	0	0	0	0
KIAA1462	0	0	0	0	0
LYZL2	0	0	0	0	0
LINC00838	0	0	0	0	0
MTRNR2L7	0	0	0	0	0
CXCL12	0	0	0	0	0

TMEM72-AS1	0	0	0	0	0
RSU1P2	0	0	0	0	0
ZFAND4	0	0	0	0	0
PTPN20A,PTPN20B	0	0	0	0	0
FAM25C	0	0	0	0	0
AGAP9	0	0	0	0	0
GDF10	0	0	0	0	0
PTPN20A,PTPN20B	0	0	0	0	0
FRMPD2P1	0	0	0	0	0
FAM25C	0	0	0	0	0
LRR1C18	0	0	0	0	0
MIR4294	0	0	0	0	0
FAM170B	0	0	0	0	0
C10orf128	0	0	0	0	0
DRGX	0	0	0	0	0
OGDHL	0	0	0	0	0
PRKG1-AS1	0	0	0	0	0
MBL2	0	0	0	0	0
PCDH15	0	0	0	0	0
MIR3924	0	0	0	0	0
M1	0	0	0	0	0
C10orf40	0	0	0	0	0
TMEM26	0	0	0	0	0
MIR1296	0	0	0	0	0
CTNNA3	0	0	0	0	0
NEUROG3	0	0	0	0	0
NPF1R1	0	0	0	0	0
TBATA	0	0	0	0	0
C10orf105	0	0	0	0	0
C10orf54	0	0	0	0	0
MIR1256	0	0	0	0	0
DUPD1	0	0	0	0	0
SFTPD	0	0	0	0	0
LRIT2	0	0	0	0	0
LRIT1	0	0	0	0	0
MIR346	0	0	0	0	0
LOC728218	0	0	0	0	0
RNLS	0	0	0	0	0
ANKRD22	0	0	0	0	0
MIR4679-2	0	0	0	0	0
CH25H	0	0	0	0	0
SLC16A12	0	0	0	0	0
MIR107	0	0	0	0	0
HTR7	0	0	0	0	0
PPP1R3C	0	0	0	0	0
RBP4	0	0	0	0	0
LOC100128054	0	0	0	0	0
CYP2C8	0	0	0	0	0
PDLIM1	0	0	0	0	0
MIR3157	0	0	0	0	0
OPALIN	0	0	0	0	0
SFRP5	0	0	0	0	0
MIR4685	0	0	0	0	0
HPSE2	0	0	0	0	0
PKD2L1	0	0	0	0	0
TLX1NB	0	0	0	0	0
LBX1	0	0	0	0	0
MIR3158-2	0	0	0	0	0
PITX3	0	0	0	0	0
MIR609	0	0	0	0	0
MIR4482-1	0	0	0	0	0
SORCS1	0	0	0	0	0
GUCY2GP	0	0	0	0	0
MIR4483	0	0	0	0	0
VAX1	0	0	0	0	0
MIR3663	0	0	0	0	0
PRLHR	0	0	0	0	0
SNORA19	0	0	0	0	0
C10orf120	0	0	0	0	0
NKX1-2	0	0	0	0	0
MIR4296	0	0	0	0	0
TEX36	0	0	0	0	0
ADAM12	0	0	0	0	0
LINC00601	0	0	0	0	0
C10orf90	0	0	0	0	0
CLRN3	0	0	0	0	0
MIR4297	0	0	0	0	0
MIR378C	0	0	0	0	0
NKX6-2	0	0	0	0	0

TTC40	0	0	0	0	0
MIR202	0	0	0	0	0
CALY	0	0	0	0	0
FUOM	0	0	0	0	0
MIR3944	0	0	0	0	0
FRG2B	0	0	0	0	0
SCGB1C1	0	0	0	0	0
ODF3	0	0	0	0	0
MUC2	0	0	0	0	0
KRTAP5-5	0	0	0	0	0
FAM99A	0	0	0	0	0
SYT8	0	0	0	0	0
TNNT3	0	0	0	0	0
IGF2-AS	0	0	0	0	0
MIR4686	0	0	0	0	0
TSPAN32	0	0	0	0	0
MRGPRG-AS1	0	0	0	0	0
OR52K2	0	0	0	0	0
OR52K1	0	0	0	0	0
OR52M1	0	0	0	0	0
OR52I2	0	0	0	0	0
OR51D1	0	0	0	0	0
OR51E1	0	0	0	0	0
OR51F2	0	0	0	0	0
OR51T1	0	0	0	0	0
OR51A7	0	0	0	0	0
MMP26	0	0	0	0	0
OR51L1	0	0	0	0	0
OR52J3	0	0	0	0	0
OR51B6	0	0	0	0	0
OR51M1	0	0	0	0	0
OR51Q1	0	0	0	0	0
OR56B1	0	0	0	0	0
OR52N4	0	0	0	0	0
OR52N2	0	0	0	0	0
OR52E4	0	0	0	0	0
OR56A3	0	0	0	0	0
OR52W1	0	0	0	0	0
CCKBR	0	0	0	0	0
OR2AG1	0	0	0	0	0
OR10A5	0	0	0	0	0
OR5E1P	0	0	0	0	0
TUB	0	0	0	0	0
KRT8P41	0	0	0	0	0
RASSF10	0	0	0	0	0
MYOD1	0	0	0	0	0
MRGPRX4	0	0	0	0	0
SAA1	0	0	0	0	0
MIR4486	0	0	0	0	0
SLC6A5	0	0	0	0	0
NELL1	0	0	0	0	0
ANO5	0	0	0	0	0
SLC17A6	0	0	0	0	0
LUZP2	0	0	0	0	0
ANO3	0	0	0	0	0
FIBIN	0	0	0	0	0
BBOX1	0	0	0	0	0
MIR610	0	0	0	0	0
DKFZp686K1684	0	0	0	0	0
WT1-AS	0	0	0	0	0
EHF	0	0	0	0	0
MIR1343	0	0	0	0	0
MIR3973	0	0	0	0	0
MIR670	0	0	0	0	0
MIR129-2	0	0	0	0	0
ACCSL	0	0	0	0	0
LOC100507384	0	0	0	0	0
MIR4688	0	0	0	0	0
MIR3160-2	0	0	0	0	0
OR4B1	0	0	0	0	0
OR4X2	0	0	0	0	0
OR4X1	0	0	0	0	0
OR4S1	0	0	0	0	0
OR4C3	0	0	0	0	0
OR4A47	0	0	0	0	0
TRIM49B	0	0	0	0	0
LOC440040	0	0	0	0	0
OR4C13	0	0	0	0	0
LOC646813	0	0	0	0	0

OR4C46	0	0	0	0	0
TRIM48	0	0	0	0	0
OR4A16	0	0	0	0	0
OR4A15	0	0	0	0	0
OR4C15	0	0	0	0	0
OR4C16	0	0	0	0	0
OR4P4	0	0	0	0	0
OR4S2	0	0	0	0	0
OR4C6	0	0	0	0	0
OR5D13	0	0	0	0	0
OR5D14	0	0	0	0	0
OR5L1	0	0	0	0	0
OR5D18	0	0	0	0	0
OR5L2	0	0	0	0	0
OR5D16	0	0	0	0	0
TRIM51	0	0	0	0	0
OR5AS1	0	0	0	0	0
OR8I2	0	0	0	0	0
OR8H2	0	0	0	0	0
OR8H3	0	0	0	0	0
OR5J2	0	0	0	0	0
OR5T3	0	0	0	0	0
OR5T1	0	0	0	0	0
OR8K3	0	0	0	0	0
OR8K1	0	0	0	0	0
OR8J1	0	0	0	0	0
OR8U1,OR8U8	0	0	0	0	0
OR5AR1	0	0	0	0	0
OR9G9	0	0	0	0	0
OR5AK2	0	0	0	0	0
OR5AK4P	0	0	0	0	0
LRRC55	0	0	0	0	0
P2RX3	0	0	0	0	0
MIR130A	0	0	0	0	0
OR9Q1	0	0	0	0	0
OR6Q1	0	0	0	0	0
OR9Q2	0	0	0	0	0
OR1S1	0	0	0	0	0
GLYATL1	0	0	0	0	0
OR5AN1	0	0	0	0	0
OR5A1	0	0	0	0	0
OR4D6	0	0	0	0	0
OR4D10	0	0	0	0	0
OR4D11	0	0	0	0	0
OR4D9	0	0	0	0	0
PLAC1L	0	0	0	0	0
MS4A3	0	0	0	0	0
MS4A2	0	0	0	0	0
MS4A4A	0	0	0	0	0
MS4A6E	0	0	0	0	0
MS4A14	0	0	0	0	0
MS4A5	0	0	0	0	0
MS4A1	0	0	0	0	0
MS4A12	0	0	0	0	0
MS4A13	0	0	0	0	0
LINC00301	0	0	0	0	0
MS4A8B	0	0	0	0	0
MS4A15	0	0	0	0	0
PGA3	0	0	0	0	0
PGA4	0	0	0	0	0
PGA5	0	0	0	0	0
MIR4488	0	0	0	0	0
LRRC10B	0	0	0	0	0
SCGB1D1	0	0	0	0	0
SCGB2A1	0	0	0	0	0
SCGB1D2	0	0	0	0	0
SCGB2A2	0	0	0	0	0
SCGB1A1	0	0	0	0	0
LGALS12	0	0	0	0	0
MIR1237	0	0	0	0	0
SLC22A12	0	0	0	0	0
SPDYC	0	0	0	0	0
MIR548AR	0	0	0	0	0
MIR4690	0	0	0	0	0
MIR4489	0	0	0	0	0
NPAS4	0	0	0	0	0
MIR4691	0	0	0	0	0
ANO1	0	0	0	0	0
MIR548K	0	0	0	0	0

DEFB108B	0	0	0	0	0
FOLR1	0	0	0	0	0
FOLR2	0	0	0	0	0
MIR4692	0	0	0	0	0
SLCO2B1	0	0	0	0	0
TPBGL	0	0	0	0	0
MOGAT2	0	0	0	0	0
OMP	0	0	0	0	0
THRSP	0	0	0	0	0
CCDC83	0	0	0	0	0
GRM5-AS1	0	0	0	0	0
TYR	0	0	0	0	0
FOLH1B	0	0	0	0	0
TRIM77	0	0	0	0	0
MIR5692A1	0	0	0	0	0
TRIM53AP	0	0	0	0	0
TRIM49D1P,TRIM49D2P	0	0	0	0	0
TRIM64	0	0	0	0	0
TRIM49C	0	0	0	0	0
UBTFL1	0	0	0	0	0
MTNR1B	0	0	0	0	0
CCDC67	0	0	0	0	0
LOC643037	0	0	0	0	0
KDM4E	0	0	0	0	0
MIR1260B	0	0	0	0	0
CNTN5	0	0	0	0	0
LOC101054525	0	0	0	0	0
WTAPP1	0	0	0	0	0
MIR4693	0	0	0	0	0
DDI1	0	0	0	0	0
LOC643923	0	0	0	0	0
RAB39A	0	0	0	0	0
C11orf87	0	0	0	0	0
MIR4491	0	0	0	0	0
MIR34B	0	0	0	0	0
MIR34C	0	0	0	0	0
C11orf88	0	0	0	0	0
LAYN	0	0	0	0	0
CLDN25	0	0	0	0	0
HTR3B	0	0	0	0	0
HTR3A	0	0	0	0	0
ZBTB16	0	0	0	0	0
NXPE2	0	0	0	0	0
APOC3	0	0	0	0	0
TMPRSS4	0	0	0	0	0
CD3E	0	0	0	0	0
MIR4492	0	0	0	0	0
FOXR1	0	0	0	0	0
SORL1	0	0	0	0	0
LOC341056	0	0	0	0	0
OR8D4	0	0	0	0	0
OR4D5	0	0	0	0	0
OR10G4	0	0	0	0	0
OR10G9	0	0	0	0	0
OR10G8	0	0	0	0	0
OR8G2	0	0	0	0	0
OR8G1,OR8G5	0	0	0	0	0
OR8A1	0	0	0	0	0
HEPN1	0	0	0	0	0
PKNOX2	0	0	0	0	0
PATE1	0	0	0	0	0
PATE3	0	0	0	0	0
PATE4	0	0	0	0	0
KIRREL3-AS2	0	0	0	0	0
KIRREL3-AS3	0	0	0	0	0
C11orf44	0	0	0	0	0
MIR210	0	0	0	0	0
KRTAP5-3	0	0	0	0	0
KRTAP5-4	0	0	0	0	0
FAM99B	0	0	0	0	0
MIR4298	0	0	0	0	0
MIR483	0	0	0	0	0
TH	0	0	0	0	0
ASCL2	0	0	0	0	0
C11orf21	0	0	0	0	0
MRGPRG	0	0	0	0	0
MRGPRE	0	0	0	0	0
OR52B4	0	0	0	0	0
C11orf40	0	0	0	0	0

OR51E2	0	0	0	0	0
OR51F1	0	0	0	0	0
OR52R1	0	0	0	0	0
OR51S1	0	0	0	0	0
OR51G2	0	0	0	0	0
OR51G1	0	0	0	0	0
OR51A4	0	0	0	0	0
OR51A2	0	0	0	0	0
OR52E2	0	0	0	0	0
OR52A5	0	0	0	0	0
OR52A1	0	0	0	0	0
OR51V1	0	0	0	0	0
OR51B2	0	0	0	0	0
OR51I1	0	0	0	0	0
UBQLN3	0	0	0	0	0
OR52H1	0	0	0	0	0
OR52N5	0	0	0	0	0
OR52N1	0	0	0	0	0
OR52E6	0	0	0	0	0
OR52E8	0	0	0	0	0
OR56A5	0	0	0	0	0
OR52L1	0	0	0	0	0
OR56A4	0	0	0	0	0
OR56A1	0	0	0	0	0
OR52B2	0	0	0	0	0
CYB5R2	0	0	0	0	0
OVCH2	0	0	0	0	0
OR5P2	0	0	0	0	0
OR5P3	0	0	0	0	0
OR10A6	0	0	0	0	0
OR10A3	0	0	0	0	0
NLRP10	0	0	0	0	0
RIC3	0	0	0	0	0
LMO1	0	0	0	0	0
MIR5691	0	0	0	0	0
LYVE1	0	0	0	0	0
MRV1	0	0	0	0	0
MIR4299	0	0	0	0	0
PTH	0	0	0	0	0
CALCA	0	0	0	0	0
ABCC8	0	0	0	0	0
SAA3P	0	0	0	0	0
SAA2,SAA2-SAA4,SAA4	0	0	0	0	0
MRGPRX1	0	0	0	0	0
MRGPRX2	0	0	0	0	0
CSRP3	0	0	0	0	0
NAV2-AS5	0	0	0	0	0
NAV2-AS4	0	0	0	0	0
MIR4694	0	0	0	0	0
DBX1	0	0	0	0	0
CCDC179	0	0	0	0	0
KCNA4	0	0	0	0	0
MPPED2	0	0	0	0	0
WT1	0	0	0	0	0
SLC1A2	0	0	0	0	0
LRRC4C	0	0	0	0	0
LOC100507205	0	0	0	0	0
HNRNPKP3	0	0	0	0	0
CHST1	0	0	0	0	0
C11orf94	0	0	0	0	0
MIR3160-1	0	0	0	0	0
MIR5582	0	0	0	0	0
SNORD67	0	0	0	0	0
OR4C45	0	0	0	0	0
TRIM64C	0	0	0	0	0
FOLH1	0	0	0	0	0
OR4C12	0	0	0	0	0
LOC441601	0	0	0	0	0
OR4A5	0	0	0	0	0
TRIM51HP	0	0	0	0	0
OR4C11	0	0	0	0	0
OR5W2	0	0	0	0	0
OR5I1	0	0	0	0	0
OR10AG1	0	0	0	0	0
OR7E5P	0	0	0	0	0
OR5F1	0	0	0	0	0
OR8J3	0	0	0	0	0
OR8K5	0	0	0	0	0
OR5T2	0	0	0	0	0

OR8H1	0	0	0	0	0
OR5R1	0	0	0	0	0
OR5M9	0	0	0	0	0
OR5M3	0	0	0	0	0
OR5M8	0	0	0	0	0
OR5M11	0	0	0	0	0
OR5M10	0	0	0	0	0
OR5M1	0	0	0	0	0
OR5AP2	0	0	0	0	0
OR9G4	0	0	0	0	0
APLNR	0	0	0	0	0
PRG3	0	0	0	0	0
OR9I1	0	0	0	0	0
OR1S2	0	0	0	0	0
OR10Q1	0	0	0	0	0
OR10W1	0	0	0	0	0
OR5B17	0	0	0	0	0
OR5B3	0	0	0	0	0
OR5B2	0	0	0	0	0
OR5B12	0	0	0	0	0
OR5B21	0	0	0	0	0
GLYAT	0	0	0	0	0
GLYATL2	0	0	0	0	0
LOC283194	0	0	0	0	0
MPEG1	0	0	0	0	0
OR5A2	0	0	0	0	0
MIR3162	0	0	0	0	0
OR10V1	0	0	0	0	0
GIF	0	0	0	0	0
TCN1	0	0	0	0	0
MS4A6A	0	0	0	0	0
MIR1908	0	0	0	0	0
SCGB1D4	0	0	0	0	0
SNORD30	0	0	0	0	0
SNORD28	0	0	0	0	0
SNORD27	0	0	0	0	0
SNORD26	0	0	0	0	0
SNORD25	0	0	0	0	0
SLC22A6	0	0	0	0	0
SLC22A8	0	0	0	0	0
SLC22A24	0	0	0	0	0
SLC22A25	0	0	0	0	0
MIR3680-2	0	0	0	0	0
HRASLS5	0	0	0	0	0
MIR192	0	0	0	0	0
MIR194-2	0	0	0	0	0
GPHA2	0	0	0	0	0
C11orf85	0	0	0	0	0
CD248	0	0	0	0	0
CTSF	0	0	0	0	0
GPR152	0	0	0	0	0
CABP2	0	0	0	0	0
ALDH3B2	0	0	0	0	0
MRGPRF	0	0	0	0	0
FGF19	0	0	0	0	0
FGF4	0	0	0	0	0
FGF3	0	0	0	0	0
MIR3664	0	0	0	0	0
KRTAP5-11	0	0	0	0	0
MIR3165	0	0	0	0	0
MIR139	0	0	0	0	0
KCNE3	0	0	0	0	0
CHRD2	0	0	0	0	0
MIR4696	0	0	0	0	0
OR2AT4	0	0	0	0	0
MIR326	0	0	0	0	0
LOC283214	0	0	0	0	0
LRRC32	0	0	0	0	0
GUCY2EP	0	0	0	0	0
GDPD4	0	0	0	0	0
RNU6-83	0	0	0	0	0
MIR708	0	0	0	0	0
MIR5579	0	0	0	0	0
MIR4300	0	0	0	0	0
FAM181B	0	0	0	0	0
SNORA70E	0	0	0	0	0
CCDC89	0	0	0	0	0
OR7E2P	0	0	0	0	0
GRM5	0	0	0	0	0

TRIM49	0	0	0	0	0
TRIM64B	0	0	0	0	0
TRIM49D1P,TRIM49D2P	0	0	0	0	0
TRIM53AP	0	0	0	0	0
MIR4490	0	0	0	0	0
SNORD5	0	0	0	0	0
MIR1304	0	0	0	0	0
JRKL-AS1	0	0	0	0	0
PGR	0	0	0	0	0
MIR3920	0	0	0	0	0
MMP20	0	0	0	0	0
MMP27	0	0	0	0	0
MMP8	0	0	0	0	0
MMP12	0	0	0	0	0
MMP13	0	0	0	0	0
PDGFD	0	0	0	0	0
CASP12	0	0	0	0	0
LOC643733	0	0	0	0	0
CARD17	0	0	0	0	0
CARD18	0	0	0	0	0
ARHGAP20	0	0	0	0	0
LOC100132078	0	0	0	0	0
BTG4	0	0	0	0	0
IL18	0	0	0	0	0
LOC100288346	0	0	0	0	0
DRD2	0	0	0	0	0
MIR4301	0	0	0	0	0
NXPE1	0	0	0	0	0
NXPE4	0	0	0	0	0
LOC283143	0	0	0	0	0
APOA5	0	0	0	0	0
APOA4	0	0	0	0	0
DSCAML1	0	0	0	0	0
FXYD2,FXYD6,FXYD6-FXYD2	0	0	0	0	0
TMPRSS4-AS1	0	0	0	0	0
MFRP	0	0	0	0	0
TRIM29	0	0	0	0	0
LOC649133	0	0	0	0	0
MIR125B1	0	0	0	0	0
BLID	0	0	0	0	0
MIRLET7A2	0	0	0	0	0
MIR100	0	0	0	0	0
BSX	0	0	0	0	0
MIR4493	0	0	0	0	0
OR6X1	0	0	0	0	0
OR6M1	0	0	0	0	0
TMEM225	0	0	0	0	0
OR6T1	0	0	0	0	0
OR10S1	0	0	0	0	0
OR10G7	0	0	0	0	0
OR8D1	0	0	0	0	0
OR8D2	0	0	0	0	0
OR8B2	0	0	0	0	0
OR8B3	0	0	0	0	0
OR8B4	0	0	0	0	0
OR8B8	0	0	0	0	0
OR8B12	0	0	0	0	0
MIR3167	0	0	0	0	0
FLI1-AS1	0	0	0	0	0
SPATA19	0	0	0	0	0
IQSEC3	0	0	0	0	0
CACNA1C-IT3	0	0	0	0	0
KCNA1	0	0	0	0	0
KCNA5	0	0	0	0	0
NTF3	0	0	0	0	0
MIR200C	0	0	0	0	0
MIR141	0	0	0	0	0
ACSM4	0	0	0	0	0
DPPA3	0	0	0	0	0
NANOGNB	0	0	0	0	0
CLEC6A	0	0	0	0	0
KLRF1	0	0	0	0	0
KLRF2	0	0	0	0	0
CLEC12A	0	0	0	0	0
CLEC12B	0	0	0	0	0
CLEC9A	0	0	0	0	0
TMEM52B	0	0	0	0	0
KLRD1	0	0	0	0	0
MIR1244-2	0	0	0	0	0

MIR613	0	0	0	0	0
MIR614	0	0	0	0	0
H2AFJ	0	0	0	0	0
PDE6H	0	0	0	0	0
PTPRO	0	0	0	0	0
SKP1P2	0	0	0	0	0
MIR3974	0	0	0	0	0
PIK3C2G	0	0	0	0	0
CAPZA3	0	0	0	0	0
LOC100506393	0	0	0	0	0
PDE3A	0	0	0	0	0
MIR920	0	0	0	0	0
LRMP	0	0	0	0	0
LOC101055625	0	0	0	0	0
C12orf40	0	0	0	0	0
LRRK2	0	0	0	0	0
CNTN1	0	0	0	0	0
MIR4698	0	0	0	0	0
C12orf68	0	0	0	0	0
ANP32D	0	0	0	0	0
C12orf54	0	0	0	0	0
WNT1	0	0	0	0	0
AQP2	0	0	0	0	0
AQP5	0	0	0	0	0
TMPRSS12	0	0	0	0	0
HIGD1C	0	0	0	0	0
ANKRD33	0	0	0	0	0
HOXC12	0	0	0	0	0
MIR196A2	0	0	0	0	0
MIR615	0	0	0	0	0
MIR148B	0	0	0	0	0
MUCL1	0	0	0	0	0
NEUROD4	0	0	0	0	0
OR9K2	0	0	0	0	0
OR10A7	0	0	0	0	0
OR6C74	0	0	0	0	0
OR6C1	0	0	0	0	0
OR6C3	0	0	0	0	0
OR6C75	0	0	0	0	0
OR6C65	0	0	0	0	0
OR6C76	0	0	0	0	0
OR6C2	0	0	0	0	0
OR6C68	0	0	0	0	0
OR6C4	0	0	0	0	0
OR2AP1	0	0	0	0	0
OR10P1	0	0	0	0	0
MIR1228	0	0	0	0	0
DTX3	0	0	0	0	0
SLC26A10	0	0	0	0	0
MIRLET71	0	0	0	0	0
MIR548C	0	0	0	0	0
FLJ41278	0	0	0	0	0
MIR3913-2	0	0	0	0	0
TPH2	0	0	0	0	0
TRHDE	0	0	0	0	0
MIR1252	0	0	0	0	0
MIR5692B	0	0	0	0	0
PTPRQ	0	0	0	0	0
MYF6	0	0	0	0	0
MYF5	0	0	0	0	0
ACSS3	0	0	0	0	0
MIR4699	0	0	0	0	0
LRRIQ1	0	0	0	0	0
ALX1	0	0	0	0	0
NTS	0	0	0	0	0
LINC00615	0	0	0	0	0
CLLU1	0	0	0	0	0
C12orf74	0	0	0	0	0
MIR5700	0	0	0	0	0
KRT19P2.MIR492	0	0	0	0	0
MIR331	0	0	0	0	0
MIR3685	0	0	0	0	0
PGAM1P5	0	0	0	0	0
RMST	0	0	0	0	0
MIR1251	0	0	0	0	0
MIR135A2	0	0	0	0	0
FAM71C	0	0	0	0	0
MIR1827	0	0	0	0	0
SLC17A8	0	0	0	0	0

NR1H4	0	0	0	0	0
ANO4	0	0	0	0	0
SPIC	0	0	0	0	0
MYBPC1	0	0	0	0	0
ASCL1	0	0	0	0	0
MIR3922	0	0	0	0	0
RFX4	0	0	0	0	0
ASCL4	0	0	0	0	0
WSCD2	0	0	0	0	0
DAO	0	0	0	0	0
MIR4497	0	0	0	0	0
CCDC63	0	0	0	0	0
LOC100131138	0	0	0	0	0
TBX5-AS1	0	0	0	0	0
HSPB8	0	0	0	0	0
CCDC60	0	0	0	0	0
TMEM233	0	0	0	0	0
P2RX7	0	0	0	0	0
MIR5188	0	0	0	0	0
LOC100128554	0	0	0	0	0
TMEM132C	0	0	0	0	0
MIR3612	0	0	0	0	0
FZD10	0	0	0	0	0
PIWIL1	0	0	0	0	0
MMP17	0	0	0	0	0
FAM138D	0	0	0	0	0
LOC574538	0	0	0	0	0
MIR3649	0	0	0	0	0
CACNA1C-AS4	0	0	0	0	0
CACNA1C-AS1	0	0	0	0	0
LOC283440	0	0	0	0	0
FGF23	0	0	0	0	0
FGF6	0	0	0	0	0
SCARNA11	0	0	0	0	0
CD163	0	0	0	0	0
APOBEC1	0	0	0	0	0
GDF3	0	0	0	0	0
CLEC4C	0	0	0	0	0
CLEC4E	0	0	0	0	0
PZP	0	0	0	0	0
A2MP1	0	0	0	0	0
MIR1244-1	0	0	0	0	0
KLRB1	0	0	0	0	0
CD69	0	0	0	0	0
CLEC2A	0	0	0	0	0
CLEC1B	0	0	0	0	0
CLEC1A	0	0	0	0	0
OLR1	0	0	0	0	0
KLRC4,KLRC4-KLRK1,KLRK1	0	0	0	0	0
KLRC3	0	0	0	0	0
KLRC1	0	0	0	0	0
TAS2R7	0	0	0	0	0
TAS2R8	0	0	0	0	0
TAS2R9	0	0	0	0	0
TAS2R42	0	0	0	0	0
PRB4	0	0	0	0	0
PRB1	0	0	0	0	0
PRB2	0	0	0	0	0
RNU6-19	0	0	0	0	0
C12orf36	0	0	0	0	0
GRIN2B	0	0	0	0	0
ART4	0	0	0	0	0
MGP	0	0	0	0	0
ERP27	0	0	0	0	0
RERG	0	0	0	0	0
SLC15A5	0	0	0	0	0
LMO3	0	0	0	0	0
REGL	0	0	0	0	0
PLCZ1	0	0	0	0	0
KCNJ8	0	0	0	0	0
SOX5	0	0	0	0	0
LINC00477	0	0	0	0	0
C12orf77	0	0	0	0	0
MIR4302	0	0	0	0	0
LOC100506451	0	0	0	0	0
MANSC4	0	0	0	0	0
OVCH1	0	0	0	0	0
TMTC1	0	0	0	0	0
RNU6-78	0	0	0	0	0

SYT10	0	0	0	0	0
CPNE8	0	0	0	0	0
ABCD2	0	0	0	0	0
ADAMTS20	0	0	0	0	0
DBX2	0	0	0	0	0
RNY5	0	0	0	0	0
AMIGO2	0	0	0	0	0
PCED1B-AS1	0	0	0	0	0
OR10AD1	0	0	0	0	0
MIR4701	0	0	0	0	0
C1QL4	0	0	0	0	0
LOC283332	0	0	0	0	0
MIR1293	0	0	0	0	0
FIGNL2	0	0	0	0	0
KRT84	0	0	0	0	0
KRT82	0	0	0	0	0
KRT75	0	0	0	0	0
KRT6B	0	0	0	0	0
KRT6C	0	0	0	0	0
KRT6A	0	0	0	0	0
KRT71	0	0	0	0	0
KRT74	0	0	0	0	0
KRT72	0	0	0	0	0
KRT2	0	0	0	0	0
KRT77	0	0	0	0	0
KRT76	0	0	0	0	0
KRT3	0	0	0	0	0
KRT78	0	0	0	0	0
HOXC-AS5	0	0	0	0	0
GTSF1	0	0	0	0	0
PPP1R1A	0	0	0	0	0
GLYCAM1	0	0	0	0	0
LACRT	0	0	0	0	0
TESPA1	0	0	0	0	0
OR6C6	0	0	0	0	0
OR6C70	0	0	0	0	0
SNORD59B	0	0	0	0	0
SNORD59A	0	0	0	0	0
TAC3	0	0	0	0	0
B4GALNT1	0	0	0	0	0
MIR26A2	0	0	0	0	0
AVPR1A	0	0	0	0	0
C12orf56	0	0	0	0	0
WIF1	0	0	0	0	0
IFNG	0	0	0	0	0
IL26	0	0	0	0	0
IL22	0	0	0	0	0
SNORA70G	0	0	0	0	0
MIR1279	0	0	0	0	0
MIR3913-1	0	0	0	0	0
TSPAN8	0	0	0	0	0
TRHDE-AS1	0	0	0	0	0
LOC100507377	0	0	0	0	0
KCNC2	0	0	0	0	0
LIN7A	0	0	0	0	0
MIR617	0	0	0	0	0
MIR618	0	0	0	0	0
PPFIA2	0	0	0	0	0
SLC6A15	0	0	0	0	0
TSPAN19	0	0	0	0	0
RASSF9	0	0	0	0	0
MGAT4C	0	0	0	0	0
MIR548AL	0	0	0	0	0
MKRN9P	0	0	0	0	0
CCER1	0	0	0	0	0
EPYC	0	0	0	0	0
KERA	0	0	0	0	0
LUM	0	0	0	0	0
DCN	0	0	0	0	0
CLLU1OS	0	0	0	0	0
LOC643339	0	0	0	0	0
MIR4303	0	0	0	0	0
SLC9A7P1	0	0	0	0	0
SLC5A8	0	0	0	0	0
PAH	0	0	0	0	0
C12orf42	0	0	0	0	0
LOC100287944	0	0	0	0	0
LOC728739	0	0	0	0	0
LHX5	0	0	0	0	0

TBX5	0	0	0	0	0
MIR620	0	0	0	0	0
MIR4472-2	0	0	0	0	0
KSR2	0	0	0	0	0
LOC144742	0	0	0	0	0
MIR4498	0	0	0	0	0
MORN3	0	0	0	0	0
IL31	0	0	0	0	0
MIR4304	0	0	0	0	0
LOC400084	0	0	0	0	0
LOC440117	0	0	0	0	0
TMEM132D	0	0	0	0	0
LOC100190940	0	0	0	0	0
FLJ31485	0	0	0	0	0
LRCOL1	0	0	0	0	0
ANHX	0	0	0	0	0
LINC00442	0	0	0	0	0
RNU6-52	0	0	0	0	0
LINC00421	0	0	0	0	0
LINC00327	0	0	0	0	0
TNFRSF19	0	0	0	0	0
MIR2276	0	0	0	0	0
RNF17	0	0	0	0	0
ATP8A2	0	0	0	0	0
SNORD102	0	0	0	0	0
GSX1	0	0	0	0	0
LINC00544	0	0	0	0	0
LINC00398	0	0	0	0	0
MEDAG	0	0	0	0	0
TEX26	0	0	0	0	0
EEF1DP3	0	0	0	0	0
KL	0	0	0	0	0
SPG20OS	0	0	0	0	0
CCNA1	0	0	0	0	0
SERTM1	0	0	0	0	0
LINC00547	0	0	0	0	0
LINC00366	0	0	0	0	0
LINC00332	0	0	0	0	0
RGCC	0	0	0	0	0
TNFSF11	0	0	0	0	0
FAM216B	0	0	0	0	0
DNAJC15	0	0	0	0	0
LINC00284	0	0	0	0	0
SERP2	0	0	0	0	0
CYSLTR2	0	0	0	0	0
ARL11	0	0	0	0	0
MIR4703	0	0	0	0	0
MIR759	0	0	0	0	0
OLFM4	0	0	0	0	0
LINC00558	0	0	0	0	0
MIR5007	0	0	0	0	0
PRR20B	0	0	0	0	0
PRR20D	0	0	0	0	0
PRR20E	0	0	0	0	0
PRR20A	0	0	0	0	0
PCDH17	0	0	0	0	0
DIAPH3-AS1	0	0	0	0	0
DIAPH3-AS2	0	0	0	0	0
PCDH9-AS2	0	0	0	0	0
PCDH9-AS3	0	0	0	0	0
ATXN8OS	0	0	0	0	0
LINC00348	0	0	0	0	0
LINC00381	0	0	0	0	0
LINC00347	0	0	0	0	0
BTF3P11	0	0	0	0	0
IRG1	0	0	0	0	0
MYCBP2-AS1	0	0	0	0	0
SCEL	0	0	0	0	0
SLAIN1	0	0	0	0	0
LINC00446	0	0	0	0	0
LINC00333	0	0	0	0	0
LINC00351	0	0	0	0	0
SLITRK5	0	0	0	0	0
LINC00433	0	0	0	0	0
MIR622	0	0	0	0	0
GPC6	0	0	0	0	0
CLDN10	0	0	0	0	0
HS6ST3	0	0	0	0	0

MIR3170	0	0	0	0	0
FKSG29	0	0	0	0	0
MIR623	0	0	0	0	0
MIR4306	0	0	0	0	0
ITGBL1	0	0	0	0	0
FGF14-AS2	0	0	0	0	0
DAOA	0	0	0	0	0
LINC00343	0	0	0	0	0
LINC00551	0	0	0	0	0
LINC00443	0	0	0	0	0
SOX1	0	0	0	0	0
SPACA7	0	0	0	0	0
C13orf35	0	0	0	0	0
GRK1	0	0	0	0	0
TMEM255B	0	0	0	0	0
TUBA3C	0	0	0	0	0
ANKRD26P3	0	0	0	0	0
GJB2	0	0	0	0	0
GJB6	0	0	0	0	0
MIR4499	0	0	0	0	0
LINC00424	0	0	0	0	0
BASP1P1	0	0	0	0	0
SPATA13-AS1	0	0	0	0	0
AMER2	0	0	0	0	0
SHISA2	0	0	0	0	0
PRHOXNB	0	0	0	0	0
FLT3	0	0	0	0	0
LINC00297	0	0	0	0	0
TEX26-AS1	0	0	0	0	0
LINC00423	0	0	0	0	0
LINC00457	0	0	0	0	0
MAB21L1	0	0	0	0	0
DCLK1	0	0	0	0	0
CCDC169,CCDC169-SOHLH2,SC	0	0	0	0	0
SPG20	0	0	0	0	0
CSNK1A1L	0	0	0	0	0
POSTN	0	0	0	0	0
TRPC4	0	0	0	0	0
STOML3	0	0	0	0	0
LHFP	0	0	0	0	0
MIR4305	0	0	0	0	0
LINC00548	0	0	0	0	0
MIR320D1	0	0	0	0	0
EPST11	0	0	0	0	0
SMIM2-IT1	0	0	0	0	0
FAM194B	0	0	0	0	0
KIAA0226L	0	0	0	0	0
HTR2A	0	0	0	0	0
LINC00462	0	0	0	0	0
MIR3613	0	0	0	0	0
MIR16-1	0	0	0	0	0
MIR15A	0	0	0	0	0
RNASEH2B-AS1	0	0	0	0	0
GUCY1B2	0	0	0	0	0
MIR5693	0	0	0	0	0
MIR1297	0	0	0	0	0
MIR3169	0	0	0	0	0
PCDH20	0	0	0	0	0
PCDH9	0	0	0	0	0
LINC00550	0	0	0	0	0
KLHL1	0	0	0	0	0
CTAGE11P	0	0	0	0	0
MIR3665	0	0	0	0	0
EDNRB	0	0	0	0	0
LINC00331	0	0	0	0	0
NDFIP2-AS1	0	0	0	0	0
SLITRK1	0	0	0	0	0
SLITRK6	0	0	0	0	0
MIR4500HG	0	0	0	0	0
MIR4500	0	0	0	0	0
LINC00353	0	0	0	0	0
LINC00559	0	0	0	0	0
LINC00379	0	0	0	0	0
GPC5-AS1	0	0	0	0	0
GPC6-AS2	0	0	0	0	0
SOX21	0	0	0	0	0
CLDN10-AS1	0	0	0	0	0
LINC00359	0	0	0	0	0
OXGR1	0	0	0	0	0

RNF113B	0	0	0	0	0
MIR548AN	0	0	0	0	0
PCCA-AS1	0	0	0	0	0
NALCN	0	0	0	0	0
FGF14	0	0	0	0	0
MIR2681	0	0	0	0	0
MIR4705	0	0	0	0	0
FGF14-IT1	0	0	0	0	0
METTL21C	0	0	0	0	0
CCDC168	0	0	0	0	0
SLC10A2	0	0	0	0	0
MIR548AS	0	0	0	0	0
DAOA-AS1	0	0	0	0	0
FAM155A	0	0	0	0	0
MYO16-AS1	0	0	0	0	0
COL4A2-AS1	0	0	0	0	0
ATP4B	0	0	0	0	0
LINC00552	0	0	0	0	0
OR11H12	0	0	0	0	0
POTEG	0	0	0	0	0
LOC101101776	0	0	0	0	0
OR4Q3	0	0	0	0	0
OR4M1	0	0	0	0	0
OR4N2	0	0	0	0	0
OR4K2	0	0	0	0	0
OR4K5	0	0	0	0	0
OR4K1	0	0	0	0	0
OR4K15	0	0	0	0	0
OR4L1	0	0	0	0	0
OR4K17	0	0	0	0	0
OR4N5	0	0	0	0	0
OR11G2	0	0	0	0	0
OR11H6	0	0	0	0	0
RNASE10	0	0	0	0	0
EDDM3A	0	0	0	0	0
EDDM3B	0	0	0	0	0
RNASE6	0	0	0	0	0
TPPP2	0	0	0	0	0
RNASE8	0	0	0	0	0
OR4E2	0	0	0	0	0
PSMB11	0	0	0	0	0
IL25	0	0	0	0	0
CMTM5	0	0	0	0	0
CPNE6	0	0	0	0	0
MIR4307	0	0	0	0	0
LINC00645	0	0	0	0	0
FOXG1	0	0	0	0	0
IGBP1P1	0	0	0	0	0
LINC00609	0	0	0	0	0
MIA2	0	0	0	0	0
LRFN5	0	0	0	0	0
SNORD127	0	0	0	0	0
GNG2	0	0	0	0	0
PTGDR	0	0	0	0	0
OTX2-AS1	0	0	0	0	0
LRRC9	0	0	0	0	0
SIX6	0	0	0	0	0
FLJ22447	0	0	0	0	0
SYT16	0	0	0	0	0
LINC00643	0	0	0	0	0
RHOJ	0	0	0	0	0
MIR4706	0	0	0	0	0
FAM71D	0	0	0	0	0
SNORD56B	0	0	0	0	0
RGS6	0	0	0	0	0
MIR4505	0	0	0	0	0
VSX2	0	0	0	0	0
VRTN	0	0	0	0	0
BATF	0	0	0	0	0
C14orf166B	0	0	0	0	0
MIR1260A	0	0	0	0	0
DIO2-AS1	0	0	0	0	0
TSHR	0	0	0	0	0
FLRT2	0	0	0	0	0
LOC283585	0	0	0	0	0
KCNK13	0	0	0	0	0
LINC00642	0	0	0	0	0
FAM181A	0	0	0	0	0
LINC00521	0	0	0	0	0

SERPINA4	0	0	0	0	0
SERPINA5	0	0	0	0	0
SERPINA13P	0	0	0	0	0
TCL6	0	0	0	0	0
TCL1B	0	0	0	0	0
LINC00617	0	0	0	0	0
C14orf132	0	0	0	0	0
BDKRB2	0	0	0	0	0
BDKRB1	0	0	0	0	0
C14orf177	0	0	0	0	0
MIR5698	0	0	0	0	0
EML1	0	0	0	0	0
EVL	0	0	0	0	0
MIR345	0	0	0	0	0
SLC25A47	0	0	0	0	0
LINC00523	0	0	0	0	0
DLK1	0	0	0	0	0
MIR2392	0	0	0	0	0
MEG3,MIR770	0	0	0	0	0
MIR493	0	0	0	0	0
MIR337	0	0	0	0	0
MIR665	0	0	0	0	0
MIR431	0	0	0	0	0
MIR433	0	0	0	0	0
MIR127	0	0	0	0	0
MIR432	0	0	0	0	0
MIR136	0	0	0	0	0
MEG8	0	0	0	0	0
SNORD113-1	0	0	0	0	0
SNORD113-2	0	0	0	0	0
SNORD113-4	0	0	0	0	0
SNORD113-5	0	0	0	0	0
SNORD113-6	0	0	0	0	0
SNORD113-7	0	0	0	0	0
SNORD113-9	0	0	0	0	0
SNORD114-1	0	0	0	0	0
SNORD114-2	0	0	0	0	0
SNORD114-3	0	0	0	0	0
SNORD114-4	0	0	0	0	0
SNORD114-5	0	0	0	0	0
SNORD114-6	0	0	0	0	0
SNORD114-7	0	0	0	0	0
SNORD114-8	0	0	0	0	0
SNORD114-9	0	0	0	0	0
SNORD114-10	0	0	0	0	0
SNORD114-11	0	0	0	0	0
SNORD114-12	0	0	0	0	0
SNORD114-13	0	0	0	0	0
SNORD114-14	0	0	0	0	0
SNORD114-15	0	0	0	0	0
SNORD114-16	0	0	0	0	0
SNORD114-17	0	0	0	0	0
SNORD114-18	0	0	0	0	0
SNORD114-19	0	0	0	0	0
SNORD114-20	0	0	0	0	0
SNORD114-21	0	0	0	0	0
SNORD114-22	0	0	0	0	0
SNORD114-23	0	0	0	0	0
SNORD114-24	0	0	0	0	0
SNORD114-25	0	0	0	0	0
SNORD114-26	0	0	0	0	0
SNORD114-27	0	0	0	0	0
SNORD114-28	0	0	0	0	0
SNORD114-29	0	0	0	0	0
SNORD114-30	0	0	0	0	0
SNORD114-31	0	0	0	0	0
MIR379	0	0	0	0	0
MIR411	0	0	0	0	0
MIR299	0	0	0	0	0
MIR380	0	0	0	0	0
MIR1197	0	0	0	0	0
MIR323A	0	0	0	0	0
MIR758	0	0	0	0	0
MIR329-1	0	0	0	0	0
MIR329-2	0	0	0	0	0
MIR494	0	0	0	0	0
MIR1193	0	0	0	0	0
MIR543	0	0	0	0	0
MIR495	0	0	0	0	0

MIR376C	0	0	0	0	0
MIR376A2	0	0	0	0	0
MIR654	0	0	0	0	0
MIR376B	0	0	0	0	0
MIR376A1	0	0	0	0	0
MIR300	0	0	0	0	0
MIR1185-1	0	0	0	0	0
MIR1185-2	0	0	0	0	0
MIR381	0	0	0	0	0
MIR487B	0	0	0	0	0
MIR539	0	0	0	0	0
MIR889	0	0	0	0	0
MIR655	0	0	0	0	0
MIR487A	0	0	0	0	0
MIR382	0	0	0	0	0
MIR134	0	0	0	0	0
MIR668	0	0	0	0	0
MIR485	0	0	0	0	0
MIR323B	0	0	0	0	0
MIR154	0	0	0	0	0
MIR496	0	0	0	0	0
MIR377	0	0	0	0	0
MIR541	0	0	0	0	0
MIR409	0	0	0	0	0
MIR412	0	0	0	0	0
MIR369	0	0	0	0	0
MIR410	0	0	0	0	0
MIR656	0	0	0	0	0
MEG9	0	0	0	0	0
DIO3	0	0	0	0	0
MIR4309	0	0	0	0	0
ASPG	0	0	0	0	0
MIR203	0	0	0	0	0
KIAA0125	0	0	0	0	0
LINC00226	0	0	0	0	0
LINC00221	0	0	0	0	0
LOC642426	0	0	0	0	0
LOC101101776	0	0	0	0	0
POTEM	0	0	0	0	0
OR4K14	0	0	0	0	0
OR4K13	0	0	0	0	0
SNORD126	0	0	0	0	0
RNASE9	0	0	0	0	0
OR6S1	0	0	0	0	0
RNASE1	0	0	0	0	0
RNASE13	0	0	0	0	0
OR5AU1	0	0	0	0	0
SALL2	0	0	0	0	0
OR10G3	0	0	0	0	0
OR10G2	0	0	0	0	0
CEBPE	0	0	0	0	0
SLC7A8	0	0	0	0	0
SLC22A17	0	0	0	0	0
EFS	0	0	0	0	0
MIR208A	0	0	0	0	0
MYH7	0	0	0	0	0
MIR208B	0	0	0	0	0
RIPK3	0	0	0	0	0
CMA1	0	0	0	0	0
CTSG	0	0	0	0	0
GZMH	0	0	0	0	0
GZMB	0	0	0	0	0
NOVA1	0	0	0	0	0
MIR548A1	0	0	0	0	0
MIR624	0	0	0	0	0
GPR33	0	0	0	0	0
SFTA3	0	0	0	0	0
NKX2-1	0	0	0	0	0
NKX2-8	0	0	0	0	0
MIR4503	0	0	0	0	0
CLEC14A	0	0	0	0	0
LINC00639	0	0	0	0	0
FSCB	0	0	0	0	0
RPL10L	0	0	0	0	0
MDGA2	0	0	0	0	0
MIR548Y	0	0	0	0	0
LINC00648	0	0	0	0	0
FRMD6-AS2	0	0	0	0	0
MIR5580	0	0	0	0	0

MIR4308	0	0	0	0	0
C14orf39	0	0	0	0	0
TMEM30B	0	0	0	0	0
KCNH5	0	0	0	0	0
GPHB5	0	0	0	0	0
MIR4708	0	0	0	0	0
CCDC177	0	0	0	0	0
SLC8A3	0	0	0	0	0
RNU6-6	0	0	0	0	0
ZDHC22	0	0	0	0	0
NGB	0	0	0	0	0
GALC	0	0	0	0	0
KCNK10	0	0	0	0	0
TTC7B	0	0	0	0	0
CATSPERB	0	0	0	0	0
PRIMA1	0	0	0	0	0
FAM181A-AS1	0	0	0	0	0
ASB2	0	0	0	0	0
SERPINA6	0	0	0	0	0
SERPINA11	0	0	0	0	0
SERPINA9	0	0	0	0	0
SERPINA12	0	0	0	0	0
GSC	0	0	0	0	0
MIR3173	0	0	0	0	0
SYNE3	0	0	0	0	0
TCL1A	0	0	0	0	0
LOC100129345	0	0	0	0	0
C14orf64	0	0	0	0	0
RTL1	0	0	0	0	0
DIO3OS	0	0	0	0	0
MIR1247	0	0	0	0	0
LINC00605	0	0	0	0	0
RD3L	0	0	0	0	0
MIR3545	0	0	0	0	0
TMEM179	0	0	0	0	0
MIR4710	0	0	0	0	0
ELK2AP	0	0	0	0	0
ADAM6	0	0	0	0	0
CHEK2P2	0	0	0	0	0
GOLGA8CP	0	0	0	0	0
CT60	0	0	0	0	0
OR4M2	0	0	0	0	0
OR4N4	0	0	0	0	0
OR4N3P	0	0	0	0	0
REREP3	0	0	0	0	0
GOLGA6L1	0	0	0	0	0
MKRN3	0	0	0	0	0
PWRN1	0	0	0	0	0
SNORD109A	0	0	0	0	0
SNORD116-1	0	0	0	0	0
SNORD116-2	0	0	0	0	0
SNORD116-9	0	0	0	0	0
SNORD116-4	0	0	0	0	0
SNORD116-5	0	0	0	0	0
SNORD116-6	0	0	0	0	0
SNORD116-7	0	0	0	0	0
SNORD116-8	0	0	0	0	0
SNORD116-9	0	0	0	0	0
SNORD116-10	0	0	0	0	0
SNORD116-11	0	0	0	0	0
SNORD116-12	0	0	0	0	0
SNORD116-13	0	0	0	0	0
SNORD116-14	0	0	0	0	0
SNORD116-15	0	0	0	0	0
SNORD116-16	0	0	0	0	0
SNORD116-17	0	0	0	0	0
SNORD116-18	0	0	0	0	0
SNORD116-19	0	0	0	0	0
SNORD116-20	0	0	0	0	0
SNORD116-21	0	0	0	0	0
SNORD116-22	0	0	0	0	0
SNORD116-23	0	0	0	0	0
SNORD116-24	0	0	0	0	0
SNORD116-25	0	0	0	0	0
SNORD116-26	0	0	0	0	0
SNORD116-27	0	0	0	0	0
SNORD116-28	0	0	0	0	0
SNORD116-29	0	0	0	0	0
IPW	0	0	0	0	0

PAR1	0	0	0	0	0
SNORD115-1	0	0	0	0	0
SNORD115-2	0	0	0	0	0
SNORD115-3	0	0	0	0	0
SNORD115-4	0	0	0	0	0
SNORD115-5	0	0	0	0	0
SNORD115-6	0	0	0	0	0
SNORD115-7	0	0	0	0	0
SNORD115-8	0	0	0	0	0
SNORD115-9	0	0	0	0	0
SNORD115-10	0	0	0	0	0
SNORD115-43	0	0	0	0	0
SNORD115-10	0	0	0	0	0
SNORD115-13	0	0	0	0	0
SNORD115-14	0	0	0	0	0
SNORD115-16	0	0	0	0	0
SNORD115-18	0	0	0	0	0
SNORD115-18	0	0	0	0	0
SNORD115-17	0	0	0	0	0
SNORD115-15,SNORD115-20,SN	0	0	0	0	0
SNORD115-22	0	0	0	0	0
PAR4	0	0	0	0	0
SNORD115-24	0	0	0	0	0
SNORD115-25	0	0	0	0	0
SNORD115-26	0	0	0	0	0
SNORD115-27	0	0	0	0	0
SNORD115-28	0	0	0	0	0
SNORD115-11	0	0	0	0	0
SNORD115-30	0	0	0	0	0
SNORD115-31	0	0	0	0	0
SNORD115-32	0	0	0	0	0
SNORD115-33	0	0	0	0	0
SNORD115-35	0	0	0	0	0
SNORD115-11	0	0	0	0	0
SNORD115-37	0	0	0	0	0
SNORD115-38	0	0	0	0	0
SNORD115-39	0	0	0	0	0
SNORD115-40	0	0	0	0	0
SNORD115-41	0	0	0	0	0
SNORD115-10	0	0	0	0	0
SNORD115-11	0	0	0	0	0
SNORD115-44	0	0	0	0	0
SNORD115-45	0	0	0	0	0
SNORD115-47	0	0	0	0	0
SNORD115-48	0	0	0	0	0
SNORD109B	0	0	0	0	0
LOC100128714	0	0	0	0	0
LOC503519	0	0	0	0	0
GABRA5	0	0	0	0	0
GABRG3	0	0	0	0	0
GOLGA8F,GOLGA8G	0	0	0	0	0
MIR4509-1	0	0	0	0	0
LOC100289656	0	0	0	0	0
ULK4P3	0	0	0	0	0
ULK4P2	0	0	0	0	0
GREM1	0	0	0	0	0
MIR4510	0	0	0	0	0
TMCO5A	0	0	0	0	0
C15orf53	0	0	0	0	0
C15orf54	0	0	0	0	0
THBS1	0	0	0	0	0
PHGR1	0	0	0	0	0
MIR626	0	0	0	0	0
ADAL	0	0	0	0	0
RNU6-28	0	0	0	0	0
C15orf43	0	0	0	0	0
DUXA2	0	0	0	0	0
SEMA6D	0	0	0	0	0
SLC24A5	0	0	0	0	0
CTXN2	0	0	0	0	0
SLC12A1	0	0	0	0	0
MIR4712	0	0	0	0	0
MIR4713	0	0	0	0	0
GLDN	0	0	0	0	0
UNC13C	0	0	0	0	0
AQP9	0	0	0	0	0
LIPC	0	0	0	0	0
FOXB1	0	0	0	0	0
MIR190A	0	0	0	0	0

KBTBD13	0	0	0	0	0
MIR4311	0	0	0	0	0
MIR548H4	0	0	0	0	0
NOX5,SPESP1	0	0	0	0	0
LINC00277	0	0	0	0	0
LINC00593	0	0	0	0	0
TMEM202	0	0	0	0	0
MIR630	0	0	0	0	0
GOLGA6B	0	0	0	0	0
C15orf60	0	0	0	0	0
TBC1D21	0	0	0	0	0
ISLR2	0	0	0	0	0
ISLR	0	0	0	0	0
CCDC33	0	0	0	0	0
GOLGA6D	0	0	0	0	0
LOC253044	0	0	0	0	0
MIR5003	0	0	0	0	0
CRABP1	0	0	0	0	0
MIR184	0	0	0	0	0
ANKRD34C	0	0	0	0	0
LOC390660	0	0	0	0	0
UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	0	0	0	0	0
GOLGA6L9	0	0	0	0	0
LOC440297	0	0	0	0	0
LOC390660	0	0	0	0	0
LOC440297	0	0	0	0	0
LOC283692	0	0	0	0	0
SCARNA15	0	0	0	0	0
MIR4515	0	0	0	0	0
TM6SF1	0	0	0	0	0
ADAMTSL3	0	0	0	0	0
EFTUD1P1	0	0	0	0	0
AGBL1	0	0	0	0	0
LINC00052	0	0	0	0	0
NTRK3-AS1	0	0	0	0	0
MIR1179	0	0	0	0	0
MIR7-2	0	0	0	0	0
ACAN	0	0	0	0	0
MIR9-3	0	0	0	0	0
LOC254559	0	0	0	0	0
ST8SIA2	0	0	0	0	0
C15orf32	0	0	0	0	0
MIR3175	0	0	0	0	0
MIR1469	0	0	0	0	0
SPATA8	0	0	0	0	0
MIR4714	0	0	0	0	0
OR4F6	0	0	0	0	0
OR4F15	0	0	0	0	0
OR4F13P	0	0	0	0	0
FAM138E	0	0	0	0	0
GOLGA6L6	0	0	0	0	0
POTEB	0	0	0	0	0
NF1P2	0	0	0	0	0
CXADRP2	0	0	0	0	0
POTEB	0	0	0	0	0
NF1P2	0	0	0	0	0
MIR4509-3	0	0	0	0	0
LOC440243	0	0	0	0	0
MIR4508	0	0	0	0	0
MAGEL2	0	0	0	0	0
NDN	0	0	0	0	0
PWRN2	0	0	0	0	0
ATP10A	0	0	0	0	0
MIR4715	0	0	0	0	0
MIR4509-1	0	0	0	0	0
GOLGA8F,GOLGA8G	0	0	0	0	0
GOLGA6L7P	0	0	0	0	0
FAM189A1	0	0	0	0	0
TRPM1	0	0	0	0	0
MIR211	0	0	0	0	0
LOC283710	0	0	0	0	0
TMCO5B	0	0	0	0	0
MIR1233-2	0	0	0	0	0
MIR1233-1	0	0	0	0	0
GJD2	0	0	0	0	0
MIR3942	0	0	0	0	0
LOC145845	0	0	0	0	0
MIR4310	0	0	0	0	0
PLA2G4F	0	0	0	0	0

MIR627	0	0	0	0	0
EPB42	0	0	0	0	0
TGM5	0	0	0	0	0
TGM7	0	0	0	0	0
LCMT2	0	0	0	0	0
MIR4716	0	0	0	0	0
CYP19A1	0	0	0	0	0
MIR1266	0	0	0	0	0
WDR72	0	0	0	0	0
MIR628	0	0	0	0	0
PYGO1	0	0	0	0	0
PRTG	0	0	0	0	0
ALDH1A2	0	0	0	0	0
MIR2116	0	0	0	0	0
C2CD4B	0	0	0	0	0
MGC15885	0	0	0	0	0
MIR1272	0	0	0	0	0
RASL12	0	0	0	0	0
MIR4511	0	0	0	0	0
SNORD18C	0	0	0	0	0
SNORD18B	0	0	0	0	0
SNORD16	0	0	0	0	0
SNORD18A	0	0	0	0	0
MIR4312	0	0	0	0	0
MIR629	0	0	0	0	0
LARP6	0	0	0	0	0
CT62	0	0	0	0	0
GRAMD2	0	0	0	0	0
HCN4	0	0	0	0	0
C15orf59	0	0	0	0	0
GOLGA6A	0	0	0	0	0
CYP11A1	0	0	0	0	0
MIR4513	0	0	0	0	0
MIR631	0	0	0	0	0
MIR4313	0	0	0	0	0
LINGO1	0	0	0	0	0
LOC645752	0	0	0	0	0
CHRNA4	0	0	0	0	0
ADAMTS7	0	0	0	0	0
LOC729911	0	0	0	0	0
LOC283688	0	0	0	0	0
MIR549	0	0	0	0	0
MIR4514	0	0	0	0	0
LOC440297	0	0	0	0	0
AP3B2	0	0	0	0	0
HDGFRP3	0	0	0	0	0
BNC1	0	0	0	0	0
LOC642423	0	0	0	0	0
MIR1276	0	0	0	0	0
LOC727915	0	0	0	0	0
NTRK3	0	0	0	0	0
MIR3529	0	0	0	0	0
RLBP1	0	0	0	0	0
RHCG	0	0	0	0	0
LOC283761	0	0	0	0	0
MIR5094	0	0	0	0	0
GABARAPL3	0	0	0	0	0
RGMA	0	0	0	0	0
LOC400456	0	0	0	0	0
FAM169B	0	0	0	0	0
DNM1P46	0	0	0	0	0
OR4F4	0	0	0	0	0
DDX11L9	0	0	0	0	0
DDX11L10	0	0	0	0	0
HBM	0	0	0	0	0
HBQ1	0	0	0	0	0
MIR5587	0	0	0	0	0
MIR3176	0	0	0	0	0
MIR662	0	0	0	0	0
TPSAB1	0	0	0	0	0
TPSD1	0	0	0	0	0
MIR3177	0	0	0	0	0
RNF151	0	0	0	0	0
MIR4516	0	0	0	0	0
MIR3677	0	0	0	0	0
MIR940	0	0	0	0	0
MIR4717	0	0	0	0	0
NTN3	0	0	0	0	0
PRSS41	0	0	0	0	0

PRSS21	0	0	0	0	0
ZG16B	0	0	0	0	0
OR1F1	0	0	0	0	0
OR1F2P	0	0	0	0	0
OR2C1	0	0	0	0	0
RBF0X1	0	0	0	0	0
MIR548X	0	0	0	0	0
MIR4718	0	0	0	0	0
MIR193B	0	0	0	0	0
MIR365A	0	0	0	0	0
MIR3179-3	0	0	0	0	0
MIR3180-3	0	0	0	0	0
MIR3179-1	0	0	0	0	0
MIR3180-1	0	0	0	0	0
ABCC6P1	0	0	0	0	0
CLEC19A	0	0	0	0	0
ACSM2A	0	0	0	0	0
MIR548D2	0	0	0	0	0
SCNN1G	0	0	0	0	0
SCNN1B	0	0	0	0	0
CHP2	0	0	0	0	0
CACNG3	0	0	0	0	0
HS3ST4	0	0	0	0	0
C16orf82	0	0	0	0	0
MIR4517	0	0	0	0	0
LOC606724	0	0	0	0	0
SLX1A,SLX1B,SULT1A3	0	0	0	0	0
ZG16	0	0	0	0	0
C16orf92	0	0	0	0	0
MIR4518	0	0	0	0	0
AHSP	0	0	0	0	0
TP53TG3D	0	0	0	0	0
TP53TG3,TP53TG3B	0	0	0	0	0
TP53TG3,TP53TG3B	0	0	0	0	0
LOC283914	0	0	0	0	0
MIR548AE2	0	0	0	0	0
C16orf78	0	0	0	0	0
MMP2	0	0	0	0	0
SLC6A2	0	0	0	0	0
CES1P2	0	0	0	0	0
CES1P1	0	0	0	0	0
MIR3935	0	0	0	0	0
MT4	0	0	0	0	0
MT3	0	0	0	0	0
MIR138-2	0	0	0	0	0
SLC12A3	0	0	0	0	0
CETP	0	0	0	0	0
CX3CL1	0	0	0	0	0
CCL17	0	0	0	0	0
TEPP	0	0	0	0	0
LRRC36	0	0	0	0	0
CDH1	0	0	0	0	0
MIR140	0	0	0	0	0
MIR1972-2	0	0	0	0	0
SNORD111B	0	0	0	0	0
SNORD111	0	0	0	0	0
CHST4	0	0	0	0	0
HPR	0	0	0	0	0
HTA	0	0	0	0	0
LOC100506172	0	0	0	0	0
CTRB1	0	0	0	0	0
CNTNAP4	0	0	0	0	0
MIR4719	0	0	0	0	0
CLEC3A	0	0	0	0	0
DYNLRB2	0	0	0	0	0
BCMO1	0	0	0	0	0
MIR4720	0	0	0	0	0
HSD17B2	0	0	0	0	0
MIR3182	0	0	0	0	0
ADAD2	0	0	0	0	0
WFDC1	0	0	0	0	0
LOC400548	0	0	0	0	0
IRF8	0	0	0	0	0
LOC146513	0	0	0	0	0
MIR5189	0	0	0	0	0
TPSG1	0	0	0	0	0
TPSB2	0	0	0	0	0
LINC00254	0	0	0	0	0
HS3ST6	0	0	0	0	0

MIR1225	0	0	0	0	0
MIR3180-5	0	0	0	0	0
SNORD60	0	0	0	0	0
MIR3178	0	0	0	0	0
C16orf90	0	0	0	0	0
TMEM114	0	0	0	0	0
GRIN2A	0	0	0	0	0
TNP2	0	0	0	0	0
PRM3	0	0	0	0	0
PRM2	0	0	0	0	0
PRM1	0	0	0	0	0
ABCC6P2	0	0	0	0	0
MIR3180-4	0	0	0	0	0
MIR3180-1	0	0	0	0	0
MIR3179-1	0	0	0	0	0
GPRC5B	0	0	0	0	0
GPR139	0	0	0	0	0
GP2	0	0	0	0	0
UMOD	0	0	0	0	0
PDILT	0	0	0	0	0
ACSM2B	0	0	0	0	0
ZP2	0	0	0	0	0
IGSF6	0	0	0	0	0
MIR548AA2	0	0	0	0	0
IL27	0	0	0	0	0
BOLA2B	0	0	0	0	0
LOC388242	0	0	0	0	0
BOLA2B	0	0	0	0	0
MIR4519	0	0	0	0	0
COX6A2	0	0	0	0	0
LOC390705	0	0	0	0	0
TP53TG3	0	0	0	0	0
LOC390705	0	0	0	0	0
RNU6-76	0	0	0	0	0
LOC146481	0	0	0	0	0
LOC100130700	0	0	0	0	0
ABCC12	0	0	0	0	0
CBLN1	0	0	0	0	0
SALL1	0	0	0	0	0
C16orf97	0	0	0	0	0
LOC100505619	0	0	0	0	0
TOX3	0	0	0	0	0
LOC643714	0	0	0	0	0
LOC643802	0	0	0	0	0
IRX3	0	0	0	0	0
CES1	0	0	0	0	0
CES5A	0	0	0	0	0
LOC283856	0	0	0	0	0
DKFZP434H168	0	0	0	0	0
LOC644649	0	0	0	0	0
CDH8	0	0	0	0	0
CDH16	0	0	0	0	0
MIR328	0	0	0	0	0
AGRP	0	0	0	0	0
DPEP3	0	0	0	0	0
MIR1538	0	0	0	0	0
SNORA70D	0	0	0	0	0
SNORD71	0	0	0	0	0
CTRB2	0	0	0	0	0
ADAMTS18	0	0	0	0	0
SDR42E1	0	0	0	0	0
KCNQ4	0	0	0	0	0
FAM92B	0	0	0	0	0
MIR5093	0	0	0	0	0
MIR1910	0	0	0	0	0
LOC732275	0	0	0	0	0
CA5A	0	0	0	0	0
MIR4722	0	0	0	0	0
LOC100506388	0	0	0	0	0
BHLHA9	0	0	0	0	0
OR1A2	0	0	0	0	0
OR1A1	0	0	0	0	0
OR1D4	0	0	0	0	0
OR3A4P	0	0	0	0	0
OR3A3	0	0	0	0	0
ASPA	0	0	0	0	0
TM4SF5	0	0	0	0	0
LOC100130950	0	0	0	0	0
WSCD1	0	0	0	0	0

MIR4520B	0	0	0	0	0
ALOX15P1	0	0	0	0	0
FBXO39	0	0	0	0	0
ALOX12P2	0	0	0	0	0
TMEM95	0	0	0	0	0
RPL29P2	0	0	0	0	0
SCARNA21	0	0	0	0	0
MIR4314	0	0	0	0	0
MIR4521	0	0	0	0	0
MIR3676	0	0	0	0	0
ARHGEF15	0	0	0	0	0
ODF4	0	0	0	0	0
GLP2R	0	0	0	0	0
TMEM220-AS1	0	0	0	0	0
SHISA6	0	0	0	0	0
MIR744	0	0	0	0	0
LINC00670	0	0	0	0	0
MYOC	0	0	0	0	0
CDRT7	0	0	0	0	0
CDRT15P2	0	0	0	0	0
MIR1288	0	0	0	0	0
SNORD49A	0	0	0	0	0
SMCR9	0	0	0	0	0
EVPLL	0	0	0	0	0
LOC339240	0	0	0	0	0
LGALS9C	0	0	0	0	0
SLC47A1	0	0	0	0	0
SNORA59B	0	0	0	0	0
CDRT15L2	0	0	0	0	0
FAM27L	0	0	0	0	0
FLJ36000	0	0	0	0	0
TBC1D3P5	0	0	0	0	0
PPY2	0	0	0	0	0
MIR4723	0	0	0	0	0
SLC13A2	0	0	0	0	0
FOXN1	0	0	0	0	0
SNORD42B	0	0	0	0	0
SNORD4A	0	0	0	0	0
SNORD42A	0	0	0	0	0
MIR451B	0	0	0	0	0
MIR423	0	0	0	0	0
TBC1D29	0	0	0	0	0
MIR193A	0	0	0	0	0
MIR4725	0	0	0	0	0
MIR365B	0	0	0	0	0
CCL2	0	0	0	0	0
CCL7	0	0	0	0	0
CCL11	0	0	0	0	0
CCL8	0	0	0	0	0
CCL13	0	0	0	0	0
TMEM132E	0	0	0	0	0
SNORD7	0	0	0	0	0
CCL18	0	0	0	0	0
CCL4	0	0	0	0	0
CCL4L1	0	0	0	0	0
CCL4L2	0	0	0	0	0
MIR2909	0	0	0	0	0
MIR4726	0	0	0	0	0
MIR4727	0	0	0	0	0
PPP1R1B	0	0	0	0	0
PNMT	0	0	0	0	0
MIR4728	0	0	0	0	0
ZPBP2	0	0	0	0	0
LRRC3C	0	0	0	0	0
SNORD124	0	0	0	0	0
KRTAP9-1	0	0	0	0	0
KRTAP9-2	0	0	0	0	0
KRTAP9-3	0	0	0	0	0
KRTAP9-8	0	0	0	0	0
KRTAP9-4	0	0	0	0	0
KRTAP9-9	0	0	0	0	0
LOC100505782	0	0	0	0	0
GAST	0	0	0	0	0
RAMP2	0	0	0	0	0
MIR2117	0	0	0	0	0
C17orf105	0	0	0	0	0
SPPL2C	0	0	0	0	0
MAPT-IT1	0	0	0	0	0
STH	0	0	0	0	0

NSFP1	0	0	0	0	0
WNT9B	0	0	0	0	0
MIR5089	0	0	0	0	0
ITGB3	0	0	0	0	0
TBX21	0	0	0	0	0
B4GALNT2	0	0	0	0	0
FLJ40194	0	0	0	0	0
SGCA	0	0	0	0	0
ABCC3	0	0	0	0	0
WFIKKN2	0	0	0	0	0
C17orf112	0	0	0	0	0
KIF2B	0	0	0	0	0
NOG	0	0	0	0	0
RNF126P1	0	0	0	0	0
OR4D1	0	0	0	0	0
MSX2P1	0	0	0	0	0
OR4D2	0	0	0	0	0
LPO	0	0	0	0	0
MIR4729	0	0	0	0	0
MIR21	0	0	0	0	0
CA4	0	0	0	0	0
TBX4	0	0	0	0	0
MIR548W	0	0	0	0	0
MIR634	0	0	0	0	0
CACNG5	0	0	0	0	0
MIR4524B	0	0	0	0	0
MAP2K6	0	0	0	0	0
KCNJ16	0	0	0	0	0
KCNJ2	0	0	0	0	0
LOC400620	0	0	0	0	0
DNAI2	0	0	0	0	0
KIF19	0	0	0	0	0
GPR142	0	0	0	0	0
C17orf77	0	0	0	0	0
OTOP3	0	0	0	0	0
MIR3678	0	0	0	0	0
RNF157-AS1	0	0	0	0	0
SNORD1C	0	0	0	0	0
SNORD1B	0	0	0	0	0
SNORD1A	0	0	0	0	0
LOC100507351	0	0	0	0	0
C17orf99	0	0	0	0	0
TMEM235	0	0	0	0	0
ENPP7	0	0	0	0	0
MIR4730	0	0	0	0	0
MIR3065	0	0	0	0	0
AATK-AS1	0	0	0	0	0
GCGR	0	0	0	0	0
UTS2R	0	0	0	0	0
MIR3183	0	0	0	0	0
RTN4RL1	0	0	0	0	0
MIR132	0	0	0	0	0
MIR212	0	0	0	0	0
SNORD91B	0	0	0	0	0
SNORD91A	0	0	0	0	0
MIR1253	0	0	0	0	0
OR1D5	0	0	0	0	0
OR1D2	0	0	0	0	0
OR1G1	0	0	0	0	0
OR3A2	0	0	0	0	0
OR3A1	0	0	0	0	0
OR1E1	0	0	0	0	0
OR1E2	0	0	0	0	0
SPATA22	0	0	0	0	0
TRPV3	0	0	0	0	0
ALOX15	0	0	0	0	0
ZNF594	0	0	0	0	0
SCIMP	0	0	0	0	0
MIR4520A	0	0	0	0	0
MIR195	0	0	0	0	0
MIR497	0	0	0	0	0
CLEC10A	0	0	0	0	0
ASGR2	0	0	0	0	0
MIR324	0	0	0	0	0
SPDYE4	0	0	0	0	0
MFSD6L	0	0	0	0	0
PIK3R6	0	0	0	0	0
DHRSTC	0	0	0	0	0
RCVRN	0	0	0	0	0

MYH13	0	0	0	0	0
MYH8	0	0	0	0	0
MYH4	0	0	0	0	0
MYH2	0	0	0	0	0
LINC00675	0	0	0	0	0
PIRT	0	0	0	0	0
HS3ST3A1	0	0	0	0	0
MIR4731	0	0	0	0	0
KRT16P2	0	0	0	0	0
TNFRSF13B	0	0	0	0	0
MIR33B	0	0	0	0	0
MIR1180	0	0	0	0	0
ALDH3A1	0	0	0	0	0
LGALS9B	0	0	0	0	0
CCDC144NL	0	0	0	0	0
MIR4522	0	0	0	0	0
SEBOX	0	0	0	0	0
MIR451A	0	0	0	0	0
MIR144	0	0	0	0	0
MIR4732	0	0	0	0	0
MIR3184	0	0	0	0	0
TMIGD1	0	0	0	0	0
MIR4733	0	0	0	0	0
ASIC2	0	0	0	0	0
AA06	0	0	0	0	0
CCL1	0	0	0	0	0
C17orf102	0	0	0	0	0
SLFN11	0	0	0	0	0
SLFN12	0	0	0	0	0
SLFN12L	0	0	0	0	0
MMP28	0	0	0	0	0
LYZL6	0	0	0	0	0
CCL16	0	0	0	0	0
CCL14,CCL15	0	0	0	0	0
CCL23	0	0	0	0	0
CCL3L1	0	0	0	0	0
TBC1D3	0	0	0	0	0
MIR4734	0	0	0	0	0
FBXO47	0	0	0	0	0
ARL5C	0	0	0	0	0
CCR7	0	0	0	0	0
KRT24	0	0	0	0	0
KRT25	0	0	0	0	0
KRT26	0	0	0	0	0
KRT27	0	0	0	0	0
KRT28	0	0	0	0	0
KRT23	0	0	0	0	0
KRT39	0	0	0	0	0
KRT40	0	0	0	0	0
KRTAP3-1	0	0	0	0	0
KRTAP1-5	0	0	0	0	0
KRTAP1-4	0	0	0	0	0
KRTAP1-3	0	0	0	0	0
KRTAP4-12	0	0	0	0	0
KRTAP4-4	0	0	0	0	0
KRTAP4-3	0	0	0	0	0
KRTAP4-2	0	0	0	0	0
KRTAP4-1	0	0	0	0	0
KRTAP29-1	0	0	0	0	0
KRTAP16-1	0	0	0	0	0
KRTAP17-1	0	0	0	0	0
KRT33A	0	0	0	0	0
KRT33B	0	0	0	0	0
KRT31	0	0	0	0	0
KRT37	0	0	0	0	0
KRT38	0	0	0	0	0
KRT32	0	0	0	0	0
KRT35	0	0	0	0	0
KRT36	0	0	0	0	0
KRT13	0	0	0	0	0
LOC147093	0	0	0	0	0
KRT9	0	0	0	0	0
KRT14	0	0	0	0	0
HAP1	0	0	0	0	0
KCNH4	0	0	0	0	0
SOST	0	0	0	0	0
C1QL1	0	0	0	0	0
LOC644172	0	0	0	0	0
MAPT-AS1	0	0	0	0	0

MIR152	0	0	0	0	0
SKAP1	0	0	0	0	0
MIR1203	0	0	0	0	0
HOXB1	0	0	0	0	0
MIR10A	0	0	0	0	0
MIR196A1	0	0	0	0	0
PRAC	0	0	0	0	0
MIR3185	0	0	0	0	0
GIP	0	0	0	0	0
GNGT2	0	0	0	0	0
HILS1	0	0	0	0	0
LINC00483	0	0	0	0	0
CA10	0	0	0	0	0
TMEM100	0	0	0	0	0
MTVR2	0	0	0	0	0
MPO	0	0	0	0	0
BZRAP1	0	0	0	0	0
MIR142	0	0	0	0	0
MIR4736	0	0	0	0	0
MIR454	0	0	0	0	0
MIR301A	0	0	0	0	0
MIR4737	0	0	0	0	0
MARCH10	0	0	0	0	0
CSH2	0	0	0	0	0
GH2	0	0	0	0	0
CSH1	0	0	0	0	0
CSHL1	0	0	0	0	0
GH1	0	0	0	0	0
PECAM1	0	0	0	0	0
APOH	0	0	0	0	0
MIR635	0	0	0	0	0
ABCA8	0	0	0	0	0
ABCA6	0	0	0	0	0
MIR4524A	0	0	0	0	0
KCNJ2-AS1	0	0	0	0	0
LINC00469	0	0	0	0	0
CD300LB	0	0	0	0	0
CD300LD	0	0	0	0	0
CD300LF	0	0	0	0	0
FADS6	0	0	0	0	0
MIR4738	0	0	0	0	0
ST6GALNAC1	0	0	0	0	0
MIR4316	0	0	0	0	0
LOC100507410	0	0	0	0	0
MIR4739	0	0	0	0	0
MIR657	0	0	0	0	0
MIR338	0	0	0	0	0
MIR1250	0	0	0	0	0
TMEM105	0	0	0	0	0
MIR4740	0	0	0	0	0
MIR3186	0	0	0	0	0
CETN1	0	0	0	0	0
ADCYAP1	0	0	0	0	0
DLGAP1-AS3	0	0	0	0	0
DLGAP1-AS5	0	0	0	0	0
LOC645355	0	0	0	0	0
MIR3976	0	0	0	0	0
LOC100130480	0	0	0	0	0
ARHGAP28	0	0	0	0	0
LRRC30	0	0	0	0	0
RAB31	0	0	0	0	0
TXNDC2	0	0	0	0	0
APCDD1	0	0	0	0	0
C18orf61	0	0	0	0	0
CIDEA	0	0	0	0	0
MIR5190	0	0	0	0	0
MIR4526	0	0	0	0	0
MCSR	0	0	0	0	0
ANKRD30B	0	0	0	0	0
MIR3156-2	0	0	0	0	0
MIR320C1	0	0	0	0	0
LAMA3	0	0	0	0	0
MIR320C2	0	0	0	0	0
LOC729950	0	0	0	0	0
PSMA8	0	0	0	0	0
MIR302F	0	0	0	0	0
DSG1	0	0	0	0	0
DSG4	0	0	0	0	0
TTR	0	0	0	0	0

ASXL3	0	0	0	0	0
DTNA	0	0	0	0	0
MIR3975	0	0	0	0	0
MIR4318	0	0	0	0	0
MIR5583-1	0	0	0	0	0
MIR4743	0	0	0	0	0
MIR1539	0	0	0	0	0
MAPK4	0	0	0	0	0
LOC100287225	0	0	0	0	0
DCC	0	0	0	0	0
DYNAP	0	0	0	0	0
MIR4529	0	0	0	0	0
BOD1L2	0	0	0	0	0
MIR122	0	0	0	0	0
OACYLP	0	0	0	0	0
GRP	0	0	0	0	0
SERPINB12	0	0	0	0	0
SERPINB13	0	0	0	0	0
SERPINB11	0	0	0	0	0
SERPINB10	0	0	0	0	0
LOC284294	0	0	0	0	0
CDH7	0	0	0	0	0
MIR5011	0	0	0	0	0
LOC643542	0	0	0	0	0
DOK6	0	0	0	0	0
C18orf63	0	0	0	0	0
LOC339298	0	0	0	0	0
GALR1	0	0	0	0	0
SALL3	0	0	0	0	0
KCNG2	0	0	0	0	0
COLEC12	0	0	0	0	0
C18orf42	0	0	0	0	0
EPB41L3	0	0	0	0	0
TMEM200C	0	0	0	0	0
L3MBTL4	0	0	0	0	0
MIR4317	0	0	0	0	0
LINC00668	0	0	0	0	0
LOC100192426	0	0	0	0	0
PIEZO2	0	0	0	0	0
LOC100288122	0	0	0	0	0
CXADRP3	0	0	0	0	0
POTEC	0	0	0	0	0
LOC644669	0	0	0	0	0
MIR133A1	0	0	0	0	0
MIR1-2	0	0	0	0	0
CTAGE1	0	0	0	0	0
ANKRD29	0	0	0	0	0
LOC728606	0	0	0	0	0
AQP4	0	0	0	0	0
CHST9	0	0	0	0	0
DSC2	0	0	0	0	0
DSC1	0	0	0	0	0
CCDC178	0	0	0	0	0
NOL4	0	0	0	0	0
ZNF396	0	0	0	0	0
MIR187	0	0	0	0	0
MIR5583-2	0	0	0	0	0
KC6	0	0	0	0	0
RIT2	0	0	0	0	0
SYT4	0	0	0	0	0
MIR4319	0	0	0	0	0
LOXHD1	0	0	0	0	0
TCEB3CL2	0	0	0	0	0
TCEB3CL2	0	0	0	0	0
TCEB3C	0	0	0	0	0
TCEB3B	0	0	0	0	0
ZBTB7C	0	0	0	0	0
MIR4744	0	0	0	0	0
MIR4320	0	0	0	0	0
STARD6	0	0	0	0	0
CCDC68	0	0	0	0	0
TCF4	0	0	0	0	0
LOC100505474	0	0	0	0	0
MIR3591	0	0	0	0	0
RAX	0	0	0	0	0
CPLX4	0	0	0	0	0
MC4R	0	0	0	0	0
SERPINB4	0	0	0	0	0
SERPINB3	0	0	0	0	0

LINC00305	0	0	0	0	0
LOC400654	0	0	0	0	0
CDH19	0	0	0	0	0
LOC100505776	0	0	0	0	0
CBLN2	0	0	0	0	0
NETO1	0	0	0	0	0
LOC400655	0	0	0	0	0
FAM69C	0	0	0	0	0
C18orf62	0	0	0	0	0
OR4F17	0	0	0	0	0
FGF22	0	0	0	0	0
PALM	0	0	0	0	0
MIR4745	0	0	0	0	0
MIR3187	0	0	0	0	0
KISS1R	0	0	0	0	0
ONECUT3	0	0	0	0	0
GIPC3	0	0	0	0	0
NMRK2	0	0	0	0	0
MIR4746	0	0	0	0	0
MIR7-3	0	0	0	0	0
MIR4747	0	0	0	0	0
ZNRF4	0	0	0	0	0
CATSPERD	0	0	0	0	0
MBD3L5	0	0	0	0	0
MBD3L2	0	0	0	0	0
RETN	0	0	0	0	0
CCL25	0	0	0	0	0
CERS4	0	0	0	0	0
OR2Z1	0	0	0	0	0
MBD3L1	0	0	0	0	0
OR1M1	0	0	0	0	0
OR7E24	0	0	0	0	0
RDH8	0	0	0	0	0
C3P1	0	0	0	0	0
SNORD105	0	0	0	0	0
SNORD105B	0	0	0	0	0
MIR4322	0	0	0	0	0
MIR1238	0	0	0	0	0
MIR638	0	0	0	0	0
MIR4748	0	0	0	0	0
TSPAN16	0	0	0	0	0
BEST2	0	0	0	0	0
MIR181C	0	0	0	0	0
OR7C2	0	0	0	0	0
CCDC105	0	0	0	0	0
OR111	0	0	0	0	0
MIR1470	0	0	0	0	0
CYP4F22	0	0	0	0	0
CYP4F8	0	0	0	0	0
CYP4F12	0	0	0	0	0
OR10H2	0	0	0	0	0
OR10H3	0	0	0	0	0
OR10H5	0	0	0	0	0
OR10H4	0	0	0	0	0
LINC00661	0	0	0	0	0
FLJ25328	0	0	0	0	0
B3GNT3	0	0	0	0	0
MIR3188	0	0	0	0	0
MIR3189	0	0	0	0	0
ZNF257	0	0	0	0	0
ZNF729	0	0	0	0	0
LOC440518	0	0	0	0	0
ZNF726	0	0	0	0	0
LOC148145	0	0	0	0	0
LOC100505835	0	0	0	0	0
VSTM2B	0	0	0	0	0
ZNF536	0	0	0	0	0
DKFZp566F0947	0	0	0	0	0
THEG5	0	0	0	0	0
CHST8	0	0	0	0	0
SCGB2B3P	0	0	0	0	0
HPN	0	0	0	0	0
MAG	0	0	0	0	0
FFAR1	0	0	0	0	0
FFAR3	0	0	0	0	0
LOC100128682	0	0	0	0	0
KIRREL2	0	0	0	0	0
LOC100134317	0	0	0	0	0
LGALS7B	0	0	0	0	0

IFNL2	0	0	0	0	0
IFNL1	0	0	0	0	0
SELV	0	0	0	0	0
LGALS13	0	0	0	0	0
LGALS16	0	0	0	0	0
LGALS17A	0	0	0	0	0
LGALS14	0	0	0	0	0
LEUTX	0	0	0	0	0
CYP2B7P1	0	0	0	0	0
CYP2B6	0	0	0	0	0
CYP2A13	0	0	0	0	0
C19orf69	0	0	0	0	0
CEACAM21	0	0	0	0	0
CEACAM5	0	0	0	0	0
CEACAM6	0	0	0	0	0
CEACAM3	0	0	0	0	0
DMRTC2	0	0	0	0	0
LOC100289650	0	0	0	0	0
PRG1	0	0	0	0	0
CD177	0	0	0	0	0
CEACAM16	0	0	0	0	0
CBLC	0	0	0	0	0
MIR642A	0	0	0	0	0
MIR769	0	0	0	0	0
DKFZp434J0226	0	0	0	0	0
IGFL1	0	0	0	0	0
MIR3190	0	0	0	0	0
SNORD23	0	0	0	0	0
SNAR-A13	0	0	0	0	0
SNAR-C2	0	0	0	0	0
SNAR-A2	0	0	0	0	0
SNAR-A8	0	0	0	0	0
SNAR-C5	0	0	0	0	0
SNAR-A2	0	0	0	0	0
SNAR-C4	0	0	0	0	0
SNAR-A13	0	0	0	0	0
SNAR-C3	0	0	0	0	0
SNAR-C5	0	0	0	0	0
ELSPBP1	0	0	0	0	0
SNAR-G1	0	0	0	0	0
SNORD32A	0	0	0	0	0
SNORD34	0	0	0	0	0
SNORD35B	0	0	0	0	0
MIR5088	0	0	0	0	0
MIR4749	0	0	0	0	0
MIR4750	0	0	0	0	0
KLK2	0	0	0	0	0
SIGLEC17P	0	0	0	0	0
SIGLECL1	0	0	0	0	0
CEACAM18	0	0	0	0	0
MIR99B	0	0	0	0	0
MIRLET7E	0	0	0	0	0
MIR125A	0	0	0	0	0
FPR2	0	0	0	0	0
MIR643	0	0	0	0	0
ZNF534	0	0	0	0	0
ERVV-2	0	0	0	0	0
FAM90A27P	0	0	0	0	0
DPRX	0	0	0	0	0
MIR512-2	0	0	0	0	0
MIR512-2	0	0	0	0	0
MIR1323	0	0	0	0	0
MIR498	0	0	0	0	0
MIR520E	0	0	0	0	0
MIR515-2	0	0	0	0	0
MIR519E	0	0	0	0	0
MIR520F	0	0	0	0	0
MIR515-1	0	0	0	0	0
MIR519C	0	0	0	0	0
MIR1283-1	0	0	0	0	0
MIR520A	0	0	0	0	0
MIR526B	0	0	0	0	0
MIR519B	0	0	0	0	0
MIR525	0	0	0	0	0
MIR523	0	0	0	0	0
MIR518F	0	0	0	0	0
MIR520B	0	0	0	0	0
MIR518B	0	0	0	0	0
MIR526A1	0	0	0	0	0

MIR520C	0	0	0	0	0
MIR518C	0	0	0	0	0
MIR524	0	0	0	0	0
MIR517A	0	0	0	0	0
MIR519D	0	0	0	0	0
MIR521-2	0	0	0	0	0
MIR520D	0	0	0	0	0
MIR517B	0	0	0	0	0
MIR520G	0	0	0	0	0
MIR516B2	0	0	0	0	0
MIR526A2	0	0	0	0	0
MIR518E	0	0	0	0	0
MIR518A1	0	0	0	0	0
MIR518D	0	0	0	0	0
MIR516B1	0	0	0	0	0
MIR518A2	0	0	0	0	0
MIR517C	0	0	0	0	0
MIR520H	0	0	0	0	0
MIR521-1	0	0	0	0	0
MIR522	0	0	0	0	0
MIR519A1	0	0	0	0	0
MIR527	0	0	0	0	0
MIR516A1	0	0	0	0	0
MIR1283-2	0	0	0	0	0
MIR516A2	0	0	0	0	0
MIR519A2	0	0	0	0	0
MIR371A	0	0	0	0	0
MIR372	0	0	0	0	0
MIR373	0	0	0	0	0
MIR4752	0	0	0	0	0
KIR3DX1	0	0	0	0	0
LILRA1	0	0	0	0	0
LILRB4	0	0	0	0	0
LILRP2	0	0	0	0	0
KIR3DL3	0	0	0	0	0
KIR2DL3	0	0	0	0	0
KIR2DL1	0	0	0	0	0
KIR2DL4,LOC100287534	0	0	0	0	0
KIR3DL1	0	0	0	0	0
KIR2DS4	0	0	0	0	0
KIR3DL2	0	0	0	0	0
NCR1	0	0	0	0	0
NLRP2	0	0	0	0	0
NLRP5	0	0	0	0	0
GALP	0	0	0	0	0
LOC100128252	0	0	0	0	0
ZNF471	0	0	0	0	0
ZNF470	0	0	0	0	0
PEG3-AS1	0	0	0	0	0
MIMT1	0	0	0	0	0
ZNF530	0	0	0	0	0
ZNF134	0	0	0	0	0
ZSCAN4	0	0	0	0	0
LOC100128398	0	0	0	0	0
ZSCAN1	0	0	0	0	0
ZNF135	0	0	0	0	0
LOC646862	0	0	0	0	0
FAM138A	0	0	0	0	0
THEG	0	0	0	0	0
LPPR3	0	0	0	0	0
MIR1227	0	0	0	0	0
RAX2	0	0	0	0	0
SNORD37	0	0	0	0	0
ARRDC5	0	0	0	0	0
MBD3L4	0	0	0	0	0
CLEC4G	0	0	0	0	0
CD209	0	0	0	0	0
LOC388499	0	0	0	0	0
MIR4999	0	0	0	0	0
ADAMTS10	0	0	0	0	0
ACTL9	0	0	0	0	0
MUC16	0	0	0	0	0
OR7G2	0	0	0	0	0
OR7G1	0	0	0	0	0
OR7G3	0	0	0	0	0
OR7D4	0	0	0	0	0
ZNF560	0	0	0	0	0
ZNF812	0	0	0	0	0
S1PR5	0	0	0	0	0

MIR199A1	0	0	0	0	0
SNORD41	0	0	0	0	0
MIR27A	0	0	0	0	0
MIR23A	0	0	0	0	0
EMR3	0	0	0	0	0
OR7C1	0	0	0	0	0
OR7A5	0	0	0	0	0
OR7A10	0	0	0	0	0
OR7A17	0	0	0	0	0
RASAL3	0	0	0	0	0
PGLYRP2	0	0	0	0	0
CYP4F24P	0	0	0	0	0
IL12RB1	0	0	0	0	0
LOC729966	0	0	0	0	0
COMP	0	0	0	0	0
HAPLN4	0	0	0	0	0
MIR1270-2	0	0	0	0	0
ZNF826P	0	0	0	0	0
MIR1270-2	0	0	0	0	0
ZNF676	0	0	0	0	0
ZNF98	0	0	0	0	0
ZNF728	0	0	0	0	0
LOC284395	0	0	0	0	0
TSHZ3	0	0	0	0	0
SCGB2B2	0	0	0	0	0
LOC400685	0	0	0	0	0
LOC100652909	0	0	0	0	0
LOC100128675	0	0	0	0	0
TYROBP	0	0	0	0	0
LOC100631378	0	0	0	0	0
PPP1R14A	0	0	0	0	0
LGALS7	0	0	0	0	0
SYCN	0	0	0	0	0
IFNL3	0	0	0	0	0
IFNL4	0	0	0	0	0
MIR4530	0	0	0	0	0
CLC	0	0	0	0	0
MIR641	0	0	0	0	0
CYP2A7	0	0	0	0	0
LOC100505495	0	0	0	0	0
CEACAM4	0	0	0	0	0
CEACAM7	0	0	0	0	0
LYPD4	0	0	0	0	0
MIR4323	0	0	0	0	0
PSG8	0	0	0	0	0
PSG10P	0	0	0	0	0
PSG1	0	0	0	0	0
PSG6	0	0	0	0	0
PSG7	0	0	0	0	0
PSG2	0	0	0	0	0
LOC284344	0	0	0	0	0
CEACAM20	0	0	0	0	0
MIR4531	0	0	0	0	0
MIR330	0	0	0	0	0
MIR642B	0	0	0	0	0
NANOS2	0	0	0	0	0
NOVA2	0	0	0	0	0
IGFL3	0	0	0	0	0
RNU6-66	0	0	0	0	0
CCDC8	0	0	0	0	0
PNMAL2	0	0	0	0	0
MIR320E	0	0	0	0	0
SNAR-E	0	0	0	0	0
ZNF541	0	0	0	0	0
TPRX1	0	0	0	0	0
SULT2A1	0	0	0	0	0
BSPH1	0	0	0	0	0
SNAR-G2	0	0	0	0	0
CGB1	0	0	0	0	0
MIR4324	0	0	0	0	0
MIR150	0	0	0	0	0
TSKS	0	0	0	0	0
SNAR-A8	0	0	0	0	0
SNAR-A4	0	0	0	0	0
SNAR-A10	0	0	0	0	0
SNAR-A7	0	0	0	0	0
SNAR-A14	0	0	0	0	0
SNAR-A3	0	0	0	0	0
SNAR-A6	0	0	0	0	0

SNAR-A10	0	0	0	0	0
SNAR-A8	0	0	0	0	0
SNAR-B1	0	0	0	0	0
SNAR-B2	0	0	0	0	0
SNAR-D	0	0	0	0	0
IZUMO2	0	0	0	0	0
KCNC3	0	0	0	0	0
NAPSB	0	0	0	0	0
SNORD88B	0	0	0	0	0
SNORD88A	0	0	0	0	0
SNORD88C	0	0	0	0	0
KLK5	0	0	0	0	0
KLK8	0	0	0	0	0
KLK9	0	0	0	0	0
KLK10	0	0	0	0	0
KLK11	0	0	0	0	0
KLK12	0	0	0	0	0
KLK13	0	0	0	0	0
SIGLEC8	0	0	0	0	0
SIGLEC12	0	0	0	0	0
SIGLEC6	0	0	0	0	0
FPR1	0	0	0	0	0
ZNF415	0	0	0	0	0
VN1R4	0	0	0	0	0
BIRC8	0	0	0	0	0
MIR371B	0	0	0	0	0
TARM1	0	0	0	0	0
LILRB5	0	0	0	0	0
LILRB2	0	0	0	0	0
LILRA3	0	0	0	0	0
LILRA4	0	0	0	0	0
NLRP7	0	0	0	0	0
RNU6-64	0	0	0	0	0
FAM71E2	0	0	0	0	0
SBK2	0	0	0	0	0
SGK110	0	0	0	0	0
NLRP13	0	0	0	0	0
ZIM3	0	0	0	0	0
ZNF418	0	0	0	0	0
ZNF256	0	0	0	0	0
C19orf18	0	0	0	0	0
ZNF606	0	0	0	0	0
MIR4754	0	0	0	0	0
TPO	0	0	0	0	0
LOC730811	0	0	0	0	0
SOX11	0	0	0	0	0
LOC150622	0	0	0	0	0
LOC400940	0	0	0	0	0
KCNF1	0	0	0	0	0
MIR3125	0	0	0	0	0
MYCN	0	0	0	0	0
MSGN1	0	0	0	0	0
KCNS3	0	0	0	0	0
MIR4757	0	0	0	0	0
FLJ12334	0	0	0	0	0
GDF7	0	0	0	0	0
C2orf70	0	0	0	0	0
TCF23	0	0	0	0	0
DNAJC5G	0	0	0	0	0
MIR4263	0	0	0	0	0
SNORD92	0	0	0	0	0
SNORD53	0	0	0	0	0
EHD3	0	0	0	0	0
MIR558	0	0	0	0	0
MIR4765	0	0	0	0	0
LINC00486	0	0	0	0	0
LOC100271832	0	0	0	0	0
VIT	0	0	0	0	0
CYP1B1-AS1	0	0	0	0	0
SLC8A1-AS1	0	0	0	0	0
LOC388942	0	0	0	0	0
ABCG8	0	0	0	0	0
EPCAM	0	0	0	0	0
MIR559	0	0	0	0	0
CCDC85A	0	0	0	0	0
FLJ30838	0	0	0	0	0
MIR5192	0	0	0	0	0
MIR4434	0	0	0	0	0
LOC339807	0	0	0	0	0

PLEK	0	0	0	0	0
PROKR1	0	0	0	0	0
GKN1	0	0	0	0	0
ANTXR1	0	0	0	0	0
MIR3126	0	0	0	0	0
OR7E91P	0	0	0	0	0
EMX1	0	0	0	0	0
NOTO	0	0	0	0	0
DCTN1-AS1	0	0	0	0	0
MIR5000	0	0	0	0	0
REG3G	0	0	0	0	0
REG1A	0	0	0	0	0
LOC1720	0	0	0	0	0
FUNDC2P2	0	0	0	0	0
RGPD1,RGPD2	0	0	0	0	0
MIR4435-1	0	0	0	0	0
SMYD1	0	0	0	0	0
THNSL2	0	0	0	0	0
TEX37	0	0	0	0	0
MIR4436A	0	0	0	0	0
ACTR3BP2	0	0	0	0	0
MAL	0	0	0	0	0
TRIM43	0	0	0	0	0
MIR3127	0	0	0	0	0
VWA3B	0	0	0	0	0
CNGA3	0	0	0	0	0
NMS	0	0	0	0	0
MIR5696	0	0	0	0	0
IL1R2	0	0	0	0	0
IL1RL2	0	0	0	0	0
MIR4772	0	0	0	0	0
LOC150568	0	0	0	0	0
POU3F3	0	0	0	0	0
PLGLA	0	0	0	0	0
SLC5A7	0	0	0	0	0
SULT1C3	0	0	0	0	0
SULT1C2	0	0	0	0	0
SULT1C2P1	0	0	0	0	0
SULT1C4	0	0	0	0	0
LIMS3L	0	0	0	0	0
LOC100507334	0	0	0	0	0
MIR4436B2	0	0	0	0	0
ACOXL	0	0	0	0	0
IL36A	0	0	0	0	0
IL36RN	0	0	0	0	0
IL1F10	0	0	0	0	0
IL1RN	0	0	0	0	0
FAM138B	0	0	0	0	0
DPP10	0	0	0	0	0
MARCO	0	0	0	0	0
PCDP1	0	0	0	0	0
GLI2	0	0	0	0	0
CNTNAP5	0	0	0	0	0
GYPC	0	0	0	0	0
GPR17	0	0	0	0	0
CFC1B	0	0	0	0	0
LOC646743,TISP43	0	0	0	0	0
CYP4F30P	0	0	0	0	0
GPR148	0	0	0	0	0
POTEE	0	0	0	0	0
LOC440910	0	0	0	0	0
LOC389043	0	0	0	0	0
RNU6-81	0	0	0	0	0
MIR3679	0	0	0	0	0
ACMSD	0	0	0	0	0
MIR128-1	0	0	0	0	0
LOC100507600	0	0	0	0	0
THSD7B	0	0	0	0	0
ARHGAP15	0	0	0	0	0
ZEB2-AS1	0	0	0	0	0
DKFZp686O1327	0	0	0	0	0
LYPD6B	0	0	0	0	0
TNFAIP6	0	0	0	0	0
MIR4773-1	0	0	0	0	0
GALNT13	0	0	0	0	0
GALNT5	0	0	0	0	0
CCDC148-AS1	0	0	0	0	0
DAPL1	0	0	0	0	0
TBR1	0	0	0	0	0

CSRNP3	0	0	0	0	0
XIRP2	0	0	0	0	0
MIR4774	0	0	0	0	0
G6PC2	0	0	0	0	0
MYO3B	0	0	0	0	0
LOC285084	0	0	0	0	0
SP9	0	0	0	0	0
HOXD12	0	0	0	0	0
HOXD11	0	0	0	0	0
HOXD10	0	0	0	0	0
MIR10B	0	0	0	0	0
OSBPL6	0	0	0	0	0
ITGA4	0	0	0	0	0
PPP1R1C	0	0	0	0	0
ZNF804A	0	0	0	0	0
MIR561	0	0	0	0	0
COL3A1	0	0	0	0	0
MIR1245A	0	0	0	0	0
PCGEM1	0	0	0	0	0
PLCL1	0	0	0	0	0
CDK15	0	0	0	0	0
SNORD70	0	0	0	0	0
SNORD11B	0	0	0	0	0
SNORD11	0	0	0	0	0
CD28	0	0	0	0	0
ICOS	0	0	0	0	0
SNORD51	0	0	0	0	0
ADAM23	0	0	0	0	0
LOC200726	0	0	0	0	0
MIR3130-2	0	0	0	0	0
LOC100507443	0	0	0	0	0
PTH2R	0	0	0	0	0
UNC80	0	0	0	0	0
CPS1-IT1	0	0	0	0	0
VWC2L	0	0	0	0	0
VWC2L-IT1	0	0	0	0	0
MIR26B	0	0	0	0	0
VIL1	0	0	0	0	0
WNT6	0	0	0	0	0
CDK5R2	0	0	0	0	0
LINC00608	0	0	0	0	0
LOC100129175	0	0	0	0	0
CCDC140	0	0	0	0	0
MOGAT1	0	0	0	0	0
KCNE4	0	0	0	0	0
NYAP2	0	0	0	0	0
MIR548AR	0	0	0	0	0
LOC646736	0	0	0	0	0
CCL20	0	0	0	0	0
SPATA3	0	0	0	0	0
MIR4777	0	0	0	0	0
C2orf57	0	0	0	0	0
ALPP	0	0	0	0	0
ALPPL2	0	0	0	0	0
ALPI	0	0	0	0	0
NEU2	0	0	0	0	0
UGT1A1,UGT1A10,UGT1A3,UGT	0	0	0	0	0
TRPM8	0	0	0	0	0
SPP2	0	0	0	0	0
CXCR7	0	0	0	0	0
MLPH	0	0	0	0	0
PRLH	0	0	0	0	0
TWIST2	0	0	0	0	0
MIR4269	0	0	0	0	0
LOC150935	0	0	0	0	0
MIR149	0	0	0	0	0
GAL3ST2	0	0	0	0	0
CXXC11	0	0	0	0	0
FAM150B	0	0	0	0	0
LOC339822	0	0	0	0	0
MYT1L	0	0	0	0	0
LOC100505964	0	0	0	0	0
LOC727982	0	0	0	0	0
LINC00487	0	0	0	0	0
LOC339788	0	0	0	0	0
LINC00299	0	0	0	0	0
MIR4261	0	0	0	0	0
FLJ33534	0	0	0	0	0
MIR4429	0	0	0	0	0

NTSR2	0	0	0	0	0
MIR4262	0	0	0	0	0
LOC100506474	0	0	0	0	0
MYCNOS	0	0	0	0	0
RAD51AP2	0	0	0	0	0
OSR1	0	0	0	0	0
APOB	0	0	0	0	0
POMC	0	0	0	0	0
MIR1301	0	0	0	0	0
C2orf53	0	0	0	0	0
SLC30A3	0	0	0	0	0
C2orf71	0	0	0	0	0
ALK	0	0	0	0	0
CAPN13	0	0	0	0	0
GALNT14	0	0	0	0	0
CAPN14	0	0	0	0	0
SRD5A2	0	0	0	0	0
SULT6B1	0	0	0	0	0
LOC375196	0	0	0	0	0
SLC8A1	0	0	0	0	0
KCNG3	0	0	0	0	0
HAAO	0	0	0	0	0
LOC728819	0	0	0	0	0
MIR548AD	0	0	0	0	0
SIX2	0	0	0	0	0
C2orf61	0	0	0	0	0
KCNK12	0	0	0	0	0
LHCGR	0	0	0	0	0
FSHR	0	0	0	0	0
NRXN1	0	0	0	0	0
MIR3682	0	0	0	0	0
EFEMP1	0	0	0	0	0
MIR217	0	0	0	0	0
MIR216A	0	0	0	0	0
MIR216B	0	0	0	0	0
MIR4432	0	0	0	0	0
LOC339803	0	0	0	0	0
SNORA70B	0	0	0	0	0
LINC00309	0	0	0	0	0
MIR4778	0	0	0	0	0
MEIS1-AS3	0	0	0	0	0
LOC644838	0	0	0	0	0
CNRIP1	0	0	0	0	0
BMP10	0	0	0	0	0
GKN2	0	0	0	0	0
FIGLA	0	0	0	0	0
CLEC4F	0	0	0	0	0
EGR4	0	0	0	0	0
NAT8	0	0	0	0	0
NAT8B	0	0	0	0	0
EVA1A	0	0	0	0	0
LRRTM4	0	0	0	0	0
SNAR-H	0	0	0	0	0
REG1B	0	0	0	0	0
REG1P	0	0	0	0	0
MIR4264	0	0	0	0	0
LRRTM1	0	0	0	0	0
MIR4779	0	0	0	0	0
CD8B	0	0	0	0	0
MIR4780	0	0	0	0	0
TRIM43B	0	0	0	0	0
FAM178B	0	0	0	0	0
CHST10	0	0	0	0	0
CREG2	0	0	0	0	0
RFX8	0	0	0	0	0
LOC100287010	0	0	0	0	0
LOC284998	0	0	0	0	0
LOC100506421	0	0	0	0	0
LOC285000	0	0	0	0	0
MIR4265	0	0	0	0	0
MIR4266	0	0	0	0	0
MIR4267	0	0	0	0	0
MIR4436B1	0	0	0	0	0
LIMS3	0	0	0	0	0
RGPD5,RGPD6	0	0	0	0	0
MIR4435-1	0	0	0	0	0
IL1B	0	0	0	0	0
IL36B	0	0	0	0	0
MIR4782	0	0	0	0	0

LOC100499194	0	0	0	0	0
LOC389023	0	0	0	0	0
EN1	0	0	0	0	0
SCTR	0	0	0	0	0
LOC84931	0	0	0	0	0
CYP27C1	0	0	0	0	0
MIR4783	0	0	0	0	0
LOC389033	0	0	0	0	0
LOC100131320	0	0	0	0	0
LOC440905	0	0	0	0	0
POTEF	0	0	0	0	0
LOC646743,TISP43	0	0	0	0	0
CFC1,CFC1B	0	0	0	0	0
MIR4784	0	0	0	0	0
C2orf27B	0	0	0	0	0
MIR663B	0	0	0	0	0
NCKAP5	0	0	0	0	0
MAP3K19	0	0	0	0	0
CXCR4	0	0	0	0	0
NXPH2	0	0	0	0	0
LRP1B	0	0	0	0	0
ZEB2	0	0	0	0	0
RPRM	0	0	0	0	0
ERMN	0	0	0	0	0
CYTIP	0	0	0	0	0
PLA2R1	0	0	0	0	0
ITGB6	0	0	0	0	0
MIR4785	0	0	0	0	0
DPP4	0	0	0	0	0
GCG	0	0	0	0	0
FAP	0	0	0	0	0
KCNH7	0	0	0	0	0
FIGN	0	0	0	0	0
GRB14	0	0	0	0	0
SNORA70F	0	0	0	0	0
SLC38A11	0	0	0	0	0
SCN1A	0	0	0	0	0
SCN9A	0	0	0	0	0
SCN7A	0	0	0	0	0
ABCB11	0	0	0	0	0
LRP2	0	0	0	0	0
WIPF1	0	0	0	0	0
CHRNA1	0	0	0	0	0
MIR933	0	0	0	0	0
EVX2	0	0	0	0	0
MIR1246	0	0	0	0	0
MIR3128	0	0	0	0	0
MIR1258	0	0	0	0	0
MIR4437	0	0	0	0	0
PDE1A	0	0	0	0	0
ZSWIM2	0	0	0	0	0
DIRC1	0	0	0	0	0
MIR1245B	0	0	0	0	0
MIR3129	0	0	0	0	0
SLC40A1	0	0	0	0	0
SDPR	0	0	0	0	0
TMEFF2	0	0	0	0	0
BOLL	0	0	0	0	0
DYTN	0	0	0	0	0
MIR2355	0	0	0	0	0
CRYGD	0	0	0	0	0
CRYGC	0	0	0	0	0
CRYGB	0	0	0	0	0
CRYGA	0	0	0	0	0
C2orf80	0	0	0	0	0
ACADL	0	0	0	0	0
MYL1	0	0	0	0	0
MIR548F2	0	0	0	0	0
MIR4776-2	0	0	0	0	0
LINC00607	0	0	0	0	0
IGFBP5	0	0	0	0	0
TNP1	0	0	0	0	0
CXCR2P1	0	0	0	0	0
PRKAG3	0	0	0	0	0
CRYBA2	0	0	0	0	0
MIR375	0	0	0	0	0
MIR3131	0	0	0	0	0
MIR153-1	0	0	0	0	0
RESP18	0	0	0	0	0

MIR3132	0	0	0	0	0
MIR4268	0	0	0	0	0
PAX3	0	0	0	0	0
DOCK10	0	0	0	0	0
MIR4439	0	0	0	0	0
MIR5702	0	0	0	0	0
C2orf83	0	0	0	0	0
SPHKAP	0	0	0	0	0
PID1	0	0	0	0	0
DNER	0	0	0	0	0
SNORD20	0	0	0	0	0
SNORD82	0	0	0	0	0
MIR1471	0	0	0	0	0
NPPC	0	0	0	0	0
ECEL1P2	0	0	0	0	0
ECEL1	0	0	0	0	0
DNAJB3	0	0	0	0	0
LOC100286922	0	0	0	0	0
GBX2	0	0	0	0	0
ASB18	0	0	0	0	0
IQCA1	0	0	0	0	0
LOC151174	0	0	0	0	0
FLJ43879	0	0	0	0	0
MIR4441	0	0	0	0	0
MIR2467	0	0	0	0	0
MIR4786	0	0	0	0	0
OR6B2	0	0	0	0	0
PRR21	0	0	0	0	0
OR6B3	0	0	0	0	0
AQP12B	0	0	0	0	0
KIF1A	0	0	0	0	0
LOC200772	0	0	0	0	0
DEFB125	0	0	0	0	0
DEFB126	0	0	0	0	0
DEFB127	0	0	0	0	0
DEFB129	0	0	0	0	0
DEFB132	0	0	0	0	0
TGM3	0	0	0	0	0
TGM6	0	0	0	0	0
SNORA51	0	0	0	0	0
SNORD56	0	0	0	0	0
SNORD57	0	0	0	0	0
C20orf141	0	0	0	0	0
TMEM239	0	0	0	0	0
MIR103A2	0	0	0	0	0
PRND	0	0	0	0	0
PLCB1	0	0	0	0	0
LAMP5	0	0	0	0	0
ANKEF1	0	0	0	0	0
SP TLC3	0	0	0	0	0
BANF2	0	0	0	0	0
LINC00851	0	0	0	0	0
MIR3192	0	0	0	0	0
SCP2D1	0	0	0	0	0
PAX1	0	0	0	0	0
LOC100270679	0	0	0	0	0
SSTR4	0	0	0	0	0
CSTL1	0	0	0	0	0
CST8	0	0	0	0	0
CST13P	0	0	0	0	0
FLJ33581	0	0	0	0	0
SYNDIG1	0	0	0	0	0
DEFB115	0	0	0	0	0
DEFB118	0	0	0	0	0
DEFB123	0	0	0	0	0
REM1	0	0	0	0	0
LINC00028	0	0	0	0	0
MIR3193	0	0	0	0	0
COX4I2	0	0	0	0	0
TTLL9	0	0	0	0	0
XKR7	0	0	0	0	0
LOC149950	0	0	0	0	0
BPIFB2	0	0	0	0	0
BPIFB6	0	0	0	0	0
BPIFB3	0	0	0	0	0
BPIFB4	0	0	0	0	0
BPIFA2	0	0	0	0	0
BPIFA4P	0	0	0	0	0
BPIFA3	0	0	0	0	0

BPIFA1	0	0	0	0	0
BPIFB1	0	0	0	0	0
MIR4755	0	0	0	0	0
MIR644A	0	0	0	0	0
MIR499A	0	0	0	0	0
BPI	0	0	0	0	0
SNORA60	0	0	0	0	0
ADIG	0	0	0	0	0
PPP1R16B	0	0	0	0	0
R3HDML	0	0	0	0	0
MIR3646	0	0	0	0	0
SEMG1	0	0	0	0	0
SEMG2	0	0	0	0	0
SPINT4	0	0	0	0	0
MMP9	0	0	0	0	0
EYA2	0	0	0	0	0
MIR3616	0	0	0	0	0
SNORD12C	0	0	0	0	0
SNORD12B	0	0	0	0	0
SNORD12	0	0	0	0	0
MIR645	0	0	0	0	0
TSHZ2	0	0	0	0	0
DOK5	0	0	0	0	0
MC3R	0	0	0	0	0
SPO11	0	0	0	0	0
MIR5095	0	0	0	0	0
PCK1	0	0	0	0	0
MIR4532	0	0	0	0	0
C20orf85	0	0	0	0	0
ZNF831	0	0	0	0	0
EDN3	0	0	0	0	0
PHACTR3	0	0	0	0	0
C20orf197	0	0	0	0	0
MIR4533	0	0	0	0	0
C20orf166	0	0	0	0	0
MIR1-1	0	0	0	0	0
HAR1A	0	0	0	0	0
MIR124-3	0	0	0	0	0
MIR3196	0	0	0	0	0
FLJ16779	0	0	0	0	0
MIR4326	0	0	0	0	0
MIR941-1,MIR941-3,MIR941-4	0	0	0	0	0
MIR941-2,MIR941-3,MIR941-4	0	0	0	0	0
DEFB128	0	0	0	0	0
TCF15	0	0	0	0	0
SCRT2	0	0	0	0	0
SIRPB2	0	0	0	0	0
SIRPD	0	0	0	0	0
SIRPB1	0	0	0	0	0
SIRPG	0	0	0	0	0
LOC100289473	0	0	0	0	0
PDYN	0	0	0	0	0
SNORD119	0	0	0	0	0
CPXM1	0	0	0	0	0
AVP	0	0	0	0	0
C20orf194	0	0	0	0	0
ADAM33	0	0	0	0	0
MIR103B2	0	0	0	0	0
ADRA1D	0	0	0	0	0
PRNT	0	0	0	0	0
PROKR2	0	0	0	0	0
HAO1	0	0	0	0	0
PAK7	0	0	0	0	0
SNAP25-AS1	0	0	0	0	0
LOC339593	0	0	0	0	0
ISM1-AS1	0	0	0	0	0
SEL1L2	0	0	0	0	0
FLRT3	0	0	0	0	0
MACROD2-AS1	0	0	0	0	0
C20orf78	0	0	0	0	0
LOC100130264	0	0	0	0	0
NKX2-4	0	0	0	0	0
NKX2-2	0	0	0	0	0
LOC284788	0	0	0	0	0
LINC00261	0	0	0	0	0
FOXA2	0	0	0	0	0
THBD	0	0	0	0	0
LINC00656	0	0	0	0	0
CST11	0	0	0	0	0

CST9L	0	0	0	0	0
CST9	0	0	0	0	0
CST4	0	0	0	0	0
CST1	0	0	0	0	0
CST2	0	0	0	0	0
CST5	0	0	0	0	0
VSX1	0	0	0	0	0
LOC284798	0	0	0	0	0
DEFB116	0	0	0	0	0
DEFB119	0	0	0	0	0
DEFB121	0	0	0	0	0
DEFB122	0	0	0	0	0
DEFB124	0	0	0	0	0
SUN5	0	0	0	0	0
GGT7	0	0	0	0	0
MIR499B	0	0	0	0	0
C20orf173	0	0	0	0	0
LINC00489	0	0	0	0	0
LOC339568	0	0	0	0	0
PTPRT	0	0	0	0	0
WFDC12	0	0	0	0	0
SLPI	0	0	0	0	0
SPINT3	0	0	0	0	0
EPPIN,EPPIN-WFDC6,WFDC6	0	0	0	0	0
WFDC8	0	0	0	0	0
WFDC9	0	0	0	0	0
WFDC11	0	0	0	0	0
CDH22	0	0	0	0	0
ZNF663	0	0	0	0	0
MKRN7P	0	0	0	0	0
ZNF334	0	0	0	0	0
OCSTAMP	0	0	0	0	0
KCNB1	0	0	0	0	0
LINC00651	0	0	0	0	0
KCNG1	0	0	0	0	0
MIR3194	0	0	0	0	0
SALL4	0	0	0	0	0
SUMO1P1	0	0	0	0	0
MIR4756	0	0	0	0	0
CYP24A1	0	0	0	0	0
CBLN4	0	0	0	0	0
MIR4325	0	0	0	0	0
CTCFL	0	0	0	0	0
ZBP1	0	0	0	0	0
APCDD1L	0	0	0	0	0
MIR296	0	0	0	0	0
MIR298	0	0	0	0	0
GNAS-AS1	0	0	0	0	0
LOC100506384	0	0	0	0	0
MIR1257	0	0	0	0	0
HRH3	0	0	0	0	0
RBBP8NL	0	0	0	0	0
GATA5	0	0	0	0	0
C20orf166-AS1	0	0	0	0	0
BHLHE23	0	0	0	0	0
HAR1B	0	0	0	0	0
NKAIN4	0	0	0	0	0
CHRNA4	0	0	0	0	0
MIR1914	0	0	0	0	0
MIR647	0	0	0	0	0
SOX18	0	0	0	0	0
C20orf201	0	0	0	0	0
NPBWR2	0	0	0	0	0
MIR3687	0	0	0	0	0
POTED	0	0	0	0	0
RBM11	0	0	0	0	0
SAMSN1-AS1	0	0	0	0	0
LINC00478	0	0	0	0	0
MIR99A	0	0	0	0	0
MIRLET7C	0	0	0	0	0
MIR125B2	0	0	0	0	0
C21orf37	0	0	0	0	0
NCAM2	0	0	0	0	0
RNU6-67	0	0	0	0	0
LINC00308	0	0	0	0	0
LOC339622	0	0	0	0	0
MIR4759	0	0	0	0	0
LINC00113	0	0	0	0	0
LINC00314	0	0	0	0	0

KRTAP13-1	0	0	0	0	0
KRTAP13-4	0	0	0	0	0
KRTAP15-1	0	0	0	0	0
KRTAP6-3	0	0	0	0	0
KRTAP22-1	0	0	0	0	0
KRTAP20-1	0	0	0	0	0
KRTAP20-4	0	0	0	0	0
KRTAP20-2	0	0	0	0	0
KRTAP20-3	0	0	0	0	0
OLIG2	0	0	0	0	0
OLIG1	0	0	0	0	0
CLIC6	0	0	0	0	0
MIR802	0	0	0	0	0
DSCR10	0	0	0	0	0
BRWD1-AS1	0	0	0	0	0
PCP4	0	0	0	0	0
DSCAM-AS1	0	0	0	0	0
MIR3197	0	0	0	0	0
LINC00111	0	0	0	0	0
LINC00112	0	0	0	0	0
UMODL1	0	0	0	0	0
UBASH3A	0	0	0	0	0
PDE9A	0	0	0	0	0
CRYAA	0	0	0	0	0
AIRE	0	0	0	0	0
TRPM2	0	0	0	0	0
KRTAP10-4	0	0	0	0	0
KRTAP10-7	0	0	0	0	0
KRTAP10-8	0	0	0	0	0
KRTAP10-9	0	0	0	0	0
KRTAP10-10	0	0	0	0	0
KRTAP10-11	0	0	0	0	0
KRTAP12-3	0	0	0	0	0
KRTAP10-12	0	0	0	0	0
TPTE	0	0	0	0	0
BAGE,BAGE3,BAGE4,BAGE5	0	0	0	0	0
MIR3156-3	0	0	0	0	0
ANKRD20A11P	0	0	0	0	0
LIPI	0	0	0	0	0
SAMSN1	0	0	0	0	0
LOC388813	0	0	0	0	0
CHODL-AS1	0	0	0	0	0
TMPRSS15	0	0	0	0	0
LINC00320	0	0	0	0	0
LINC00317	0	0	0	0	0
D21S2088E	0	0	0	0	0
CYYR1	0	0	0	0	0
ADAMTS1	0	0	0	0	0
MIR5009	0	0	0	0	0
CLDN17	0	0	0	0	0
LINC00307	0	0	0	0	0
CLDN8	0	0	0	0	0
KRTAP24-1	0	0	0	0	0
KRTAP25-1	0	0	0	0	0
KRTAP26-1	0	0	0	0	0
KRTAP27-1	0	0	0	0	0
KRTAP23-1	0	0	0	0	0
KRTAP13-2	0	0	0	0	0
MIR4327	0	0	0	0	0
KRTAP13-3	0	0	0	0	0
KRTAP19-1	0	0	0	0	0
KRTAP19-2	0	0	0	0	0
KRTAP19-3	0	0	0	0	0
KRTAP19-4	0	0	0	0	0
KRTAP19-5	0	0	0	0	0
KRTAP19-6	0	0	0	0	0
KRTAP19-7	0	0	0	0	0
KRTAP22-2	0	0	0	0	0
KRTAP6-2	0	0	0	0	0
KRTAP6-1	0	0	0	0	0
KRTAP21-3	0	0	0	0	0
KRTAP21-2	0	0	0	0	0
KRTAP21-1	0	0	0	0	0
KRTAP8-1	0	0	0	0	0
KRTAP7-1	0	0	0	0	0
KRTAP11-1	0	0	0	0	0
KRTAP19-8	0	0	0	0	0
LINC00159	0	0	0	0	0
C21orf54	0	0	0	0	0

LINC00160	0	0	0	0	0
LOC100506403	0	0	0	0	0
KCNJ6	0	0	0	0	0
DSCR4	0	0	0	0	0
ERG	0	0	0	0	0
LINC00114	0	0	0	0	0
C21orf88	0	0	0	0	0
DSCAM	0	0	0	0	0
MIR4760	0	0	0	0	0
DSCAM-IT1	0	0	0	0	0
LINC00323	0	0	0	0	0
TMPRSS2	0	0	0	0	0
C21orf128	0	0	0	0	0
TFF3	0	0	0	0	0
TFF2	0	0	0	0	0
TFF1	0	0	0	0	0
TMPRSS3	0	0	0	0	0
KRTAP10-3	0	0	0	0	0
KRTAP10-5	0	0	0	0	0
KRTAP10-6	0	0	0	0	0
KRTAP12-4	0	0	0	0	0
KRTAP12-2	0	0	0	0	0
KRTAP12-1	0	0	0	0	0
LOC100129027	0	0	0	0	0
S100B	0	0	0	0	0
TPTEP1	0	0	0	0	0
HSFY1P1	0	0	0	0	0
FLJ41941	0	0	0	0	0
MIR185	0	0	0	0	0
POM121L4P	0	0	0	0	0
MIR301B	0	0	0	0	0
MIR130B	0	0	0	0	0
VPREB1	0	0	0	0	0
MIR650	0	0	0	0	0
IGLL5	0	0	0	0	0
C22orf15	0	0	0	0	0
TOP1P2	0	0	0	0	0
IGLL3P	0	0	0	0	0
SEZ6L	0	0	0	0	0
MIR3199-2	0	0	0	0	0
HORMAD2	0	0	0	0	0
MIR3200	0	0	0	0	0
AP1B1P1	0	0	0	0	0
TIMP3	0	0	0	0	0
ISX	0	0	0	0	0
MIR3909	0	0	0	0	0
APOE5	0	0	0	0	0
LOC100506241	0	0	0	0	0
MIR4534	0	0	0	0	0
SYNGR1	0	0	0	0	0
MCHR1	0	0	0	0	0
MIR1281	0	0	0	0	0
MIR33A	0	0	0	0	0
MPPED1	0	0	0	0	0
EFCAB6-AS1	0	0	0	0	0
LINC00207	0	0	0	0	0
UPK3A	0	0	0	0	0
FBLN1	0	0	0	0	0
MIR4762	0	0	0	0	0
MIR3619	0	0	0	0	0
MIR3201	0	0	0	0	0
FAM19A5	0	0	0	0	0
MIR4535	0	0	0	0	0
LOC100128946	0	0	0	0	0
PANX2	0	0	0	0	0
MIOX	0	0	0	0	0
POTEH	0	0	0	0	0
OR11H1	0	0	0	0	0
CCT8L2	0	0	0	0	0
GAB4	0	0	0	0	0
CECR3	0	0	0	0	0
MIR3198-1	0	0	0	0	0
GSC2	0	0	0	0	0
LOC150185	0	0	0	0	0
LOC388849	0	0	0	0	0
MIR1286	0	0	0	0	0
SLC7A4	0	0	0	0	0
P2RX6P	0	0	0	0	0
ZNF280B	0	0	0	0	0

IGLL1	0	0	0	0	0
GGT5	0	0	0	0	0
PIWIL3	0	0	0	0	0
MIR548J	0	0	0	0	0
CRYBB1	0	0	0	0	0
MIR3199-1	0	0	0	0	0
C22orf31	0	0	0	0	0
MIR3653	0	0	0	0	0
SEC14L6	0	0	0	0	0
MIR3928	0	0	0	0	0
C22orf42	0	0	0	0	0
BPIFC	0	0	0	0	0
MIR4764	0	0	0	0	0
MB	0	0	0	0	0
APOL3	0	0	0	0	0
CACNG2	0	0	0	0	0
PVALB	0	0	0	0	0
TEX33	0	0	0	0	0
IL2RB	0	0	0	0	0
SSTR3	0	0	0	0	0
ELFN2	0	0	0	0	0
LGALS2	0	0	0	0	0
MIR659	0	0	0	0	0
SNORD83A	0	0	0	0	0
RNU86	0	0	0	0	0
SNORD43	0	0	0	0	0
ENTHD1	0	0	0	0	0
MIR4766	0	0	0	0	0
SULT4A1	0	0	0	0	0
PNPLA5	0	0	0	0	0
LINC00229	0	0	0	0	0
PHF21B	0	0	0	0	0
MIR1249	0	0	0	0	0
FLJ46257	0	0	0	0	0
LOC284933	0	0	0	0	0
CHL1	0	0	0	0	0
CNTN6	0	0	0	0	0
LRRN1	0	0	0	0	0
GRM7	0	0	0	0	0
CAV3	0	0	0	0	0
SLC6A11	0	0	0	0	0
SYN2	0	0	0	0	0
PPARG	0	0	0	0	0
FGD5P1	0	0	0	0	0
MIR563	0	0	0	0	0
LOC339862	0	0	0	0	0
VENTXP7	0	0	0	0	0
UBE2E2	0	0	0	0	0
MIR548AC	0	0	0	0	0
THRB-AS1	0	0	0	0	0
LRRC3B	0	0	0	0	0
LINC00693	0	0	0	0	0
RBMS3	0	0	0	0	0
OSBPL10-AS1	0	0	0	0	0
TRIM71	0	0	0	0	0
CCR4	0	0	0	0	0
ARPP21	0	0	0	0	0
MIR128-2	0	0	0	0	0
STAC	0	0	0	0	0
MIR26A1	0	0	0	0	0
CCR8	0	0	0	0	0
ENTPD3	0	0	0	0	0
KLHL40	0	0	0	0	0
CCDC13-AS1	0	0	0	0	0
KRBOX1	0	0	0	0	0
MIR138-1	0	0	0	0	0
TOPAZ1	0	0	0	0	0
CCR3	0	0	0	0	0
CCR2	0	0	0	0	0
RTP3	0	0	0	0	0
LRRC2-AS1	0	0	0	0	0
TDGF1	0	0	0	0	0
LOC100132146	0	0	0	0	0
MIR1226	0	0	0	0	0
MIR4443	0	0	0	0	0
CAMP	0	0	0	0	0
MIR4271	0	0	0	0	0
MIR4787	0	0	0	0	0
IQCF4	0	0	0	0	0

IQCF3	0	0	0	0	0
IQCF2	0	0	0	0	0
SNORD19	0	0	0	0	0
SNORD19B	0	0	0	0	0
SNORD69	0	0	0	0	0
CACNA2D3	0	0	0	0	0
ARHGEF3-AS1	0	0	0	0	0
LINC00698	0	0	0	0	0
SYNPR	0	0	0	0	0
SNTN	0	0	0	0	0
PRICKLE2-AS1	0	0	0	0	0
PRICKLE2-AS2	0	0	0	0	0
ADAMTS9-AS2	0	0	0	0	0
MIR548A2	0	0	0	0	0
MAG11-AS1	0	0	0	0	0
MIR4272	0	0	0	0	0
FAM19A1	0	0	0	0	0
GPR27	0	0	0	0	0
LOC201617	0	0	0	0	0
MIR4444-1	0	0	0	0	0
MIR1324	0	0	0	0	0
MIR4273	0	0	0	0	0
ROBO2	0	0	0	0	0
CADM2	0	0	0	0	0
MIR5688	0	0	0	0	0
HTR1F	0	0	0	0	0
LOC255025	0	0	0	0	0
EPHA6	0	0	0	0	0
OR5AC2	0	0	0	0	0
OR5H1	0	0	0	0	0
OR5H14	0	0	0	0	0
OR5H15	0	0	0	0	0
OR5H6	0	0	0	0	0
OR5H2	0	0	0	0	0
OR5K4	0	0	0	0	0
OR5K3	0	0	0	0	0
OR5K1	0	0	0	0	0
GPR15	0	0	0	0	0
COL8A1	0	0	0	0	0
GPR128	0	0	0	0	0
TRAT1	0	0	0	0	0
FLJ22763	0	0	0	0	0
LINC00488	0	0	0	0	0
FLJ25363	0	0	0	0	0
MIR567	0	0	0	0	0
WDR52-AS1	0	0	0	0	0
MIR4446	0	0	0	0	0
TIGIT	0	0	0	0	0
ZBTB20-AS1	0	0	0	0	0
GAP43	0	0	0	0	0
LSAMP-AS3	0	0	0	0	0
IGSF11-AS1	0	0	0	0	0
C3orf30	0	0	0	0	0
PLA1A	0	0	0	0	0
MAATS1	0	0	0	0	0
CD86	0	0	0	0	0
CASR	0	0	0	0	0
MIR5002	0	0	0	0	0
ROPN1B	0	0	0	0	0
ALDH1L1-AS1	0	0	0	0	0
ALDH1L1-AS2	0	0	0	0	0
NUP210P1	0	0	0	0	0
DNAJB8-AS1	0	0	0	0	0
LOC90246	0	0	0	0	0
EFCC1	0	0	0	0	0
GP9	0	0	0	0	0
RHO	0	0	0	0	0
H1FOO	0	0	0	0	0
COL6A5	0	0	0	0	0
ACPP	0	0	0	0	0
NPHP3-AS1	0	0	0	0	0
TMEM108	0	0	0	0	0
BFSP2	0	0	0	0	0
MIR4788	0	0	0	0	0
EPHB1	0	0	0	0	0
SOX14	0	0	0	0	0
BPESC1	0	0	0	0	0
CLSTN2	0	0	0	0	0
TRIM42	0	0	0	0	0

SPSB4	0	0	0	0	0
LOC100507389	0	0	0	0	0
CHST2	0	0	0	0	0
SLC9A9-AS1	0	0	0	0	0
ZIC1	0	0	0	0	0
AGTR1	0	0	0	0	0
CPB1	0	0	0	0	0
CPA3	0	0	0	0	0
HLTF-AS1	0	0	0	0	0
TM4SF4	0	0	0	0	0
CLRN1-AS1	0	0	0	0	0
MED12L	0	0	0	0	0
MIR548H2	0	0	0	0	0
AADACL2	0	0	0	0	0
LOC201651	0	0	0	0	0
AADAC	0	0	0	0	0
SUCNR1	0	0	0	0	0
MME	0	0	0	0	0
LOC100498859	0	0	0	0	0
PTX3	0	0	0	0	0
C3orf55	0	0	0	0	0
MLF1	0	0	0	0	0
MIR3919	0	0	0	0	0
MIR15B	0	0	0	0	0
MIR16-2	0	0	0	0	0
OTOL1	0	0	0	0	0
LOC646168	0	0	0	0	0
MIR551B	0	0	0	0	0
SAMD7	0	0	0	0	0
NLGN1	0	0	0	0	0
NAALADL2	0	0	0	0	0
MIR4789	0	0	0	0	0
ABCC5-AS1	0	0	0	0	0
HTR3D	0	0	0	0	0
HTR3C	0	0	0	0	0
HTR3E	0	0	0	0	0
MIR1224	0	0	0	0	0
SNORD66	0	0	0	0	0
EHHADH-AS1	0	0	0	0	0
LOC344887	0	0	0	0	0
HRG	0	0	0	0	0
KNG1	0	0	0	0	0
SNORD2	0	0	0	0	0
RTP1	0	0	0	0	0
RTP4	0	0	0	0	0
LOC100131635	0	0	0	0	0
TP63	0	0	0	0	0
MIR944	0	0	0	0	0
SNAR-1	0	0	0	0	0
OSTN	0	0	0	0	0
PYDC2	0	0	0	0	0
MIR570	0	0	0	0	0
LOC401109	0	0	0	0	0
FAM157A	0	0	0	0	0
CNTN4-AS2	0	0	0	0	0
IL5RA	0	0	0	0	0
MIR4790	0	0	0	0	0
CIDEC	0	0	0	0	0
MIR885	0	0	0	0	0
LINC00606	0	0	0	0	0
SLC6A1-AS1	0	0	0	0	0
TIMP4	0	0	0	0	0
WNT7A	0	0	0	0	0
MIR4270	0	0	0	0	0
MIR4791	0	0	0	0	0
ZNF385D	0	0	0	0	0
LINC00691	0	0	0	0	0
MIR4792	0	0	0	0	0
MIR4442	0	0	0	0	0
LINC00692	0	0	0	0	0
EOMES	0	0	0	0	0
GADL1	0	0	0	0	0
DCLK3	0	0	0	0	0
SCN5A	0	0	0	0	0
SCN10A	0	0	0	0	0
CCK	0	0	0	0	0
LYZL4	0	0	0	0	0
HHATL	0	0	0	0	0
CYP8B1	0	0	0	0	0

CCR1	0	0	0	0	0
LTF	0	0	0	0	0
PRSS46	0	0	0	0	0
PRSS45	0	0	0	0	0
PRSS42	0	0	0	0	0
MYL3	0	0	0	0	0
MIR425	0	0	0	0	0
MIR191	0	0	0	0	0
LOC646498	0	0	0	0	0
BSN-AS2	0	0	0	0	0
CDHR4	0	0	0	0	0
CAMKV	0	0	0	0	0
IQCF6	0	0	0	0	0
IQCF5	0	0	0	0	0
MIRLET7G	0	0	0	0	0
MIR135A1	0	0	0	0	0
CACNA2D3-AS1	0	0	0	0	0
LRTM1	0	0	0	0	0
WNT5A	0	0	0	0	0
ERC2-IT1	0	0	0	0	0
MIR3938	0	0	0	0	0
FAM3D	0	0	0	0	0
C3orf67	0	0	0	0	0
FEZF2	0	0	0	0	0
SYNPR-AS1	0	0	0	0	0
LOC100287879	0	0	0	0	0
PRICKLE2	0	0	0	0	0
FAM19A4	0	0	0	0	0
MIR3136	0	0	0	0	0
MIR1284	0	0	0	0	0
PROK2	0	0	0	0	0
PDZRN3	0	0	0	0	0
CNTN3	0	0	0	0	0
LOC440970	0	0	0	0	0
CADM2-AS2	0	0	0	0	0
RNU6-69	0	0	0	0	0
VGLL3	0	0	0	0	0
MIR4795	0	0	0	0	0
POU1F1	0	0	0	0	0
GABRR3	0	0	0	0	0
ST3GAL6-AS1	0	0	0	0	0
MIR548G	0	0	0	0	0
MIR3921	0	0	0	0	0
MIR548A3	0	0	0	0	0
LINC00635	0	0	0	0	0
RETNLB	0	0	0	0	0
GUCA1C	0	0	0	0	0
MORC1	0	0	0	0	0
DPPA2	0	0	0	0	0
DPPA4	0	0	0	0	0
ZBED2	0	0	0	0	0
CD200R1L	0	0	0	0	0
DRD3	0	0	0	0	0
MIR568	0	0	0	0	0
MIR4796	0	0	0	0	0
CD80	0	0	0	0	0
ILDR1	0	0	0	0	0
SEMA5B	0	0	0	0	0
ROPN1	0	0	0	0	0
MIR5092	0	0	0	0	0
MIR548I1	0	0	0	0	0
C3orf22	0	0	0	0	0
C3orf27	0	0	0	0	0
KIAA1257	0	0	0	0	0
MIR5704	0	0	0	0	0
C3orf36	0	0	0	0	0
SLCO2A1	0	0	0	0	0
FOXL2	0	0	0	0	0
PRR23B	0	0	0	0	0
PISRT1	0	0	0	0	0
RBP2	0	0	0	0	0
RBP1	0	0	0	0	0
PCOLCE2	0	0	0	0	0
PAQR9	0	0	0	0	0
PLOD2	0	0	0	0	0
PLSCR5	0	0	0	0	0
ZIC4	0	0	0	0	0
TM4SF18	0	0	0	0	0
ANKUB1	0	0	0	0	0

GPR171	0	0	0	0	0
P2RY14	0	0	0	0	0
P2RY13	0	0	0	0	0
P2RY12	0	0	0	0	0
IGSF10	0	0	0	0	0
MIR5186	0	0	0	0	0
GPR149	0	0	0	0	0
KCNAB1-AS2	0	0	0	0	0
KCNAB1-AS1	0	0	0	0	0
SPTSSB	0	0	0	0	0
CT64	0	0	0	0	0
SI	0	0	0	0	0
SLITRK3	0	0	0	0	0
BCHE	0	0	0	0	0
ZBBX	0	0	0	0	0
LRRC31	0	0	0	0	0
SLC2A2	0	0	0	0	0
MIR569	0	0	0	0	0
GHSR	0	0	0	0	0
TNFSF10	0	0	0	0	0
NAALADL2-AS3	0	0	0	0	0
FLJ46066	0	0	0	0	0
LOC253573	0	0	0	0	0
ADIPOQ-AS1	0	0	0	0	0
RPL39L	0	0	0	0	0
MASP1	0	0	0	0	0
SST	0	0	0	0	0
RTP2	0	0	0	0	0
CLDN1	0	0	0	0	0
TMEM207	0	0	0	0	0
GMNC	0	0	0	0	0
FGF12	0	0	0	0	0
LOC647323	0	0	0	0	0
DPPA2P3	0	0	0	0	0
CPN2	0	0	0	0	0
MIR5692C1	0	0	0	0	0
APOD	0	0	0	0	0
MIR4797	0	0	0	0	0
ZNF141	0	0	0	0	0
FLJ35424	0	0	0	0	0
STK32B	0	0	0	0	0
LOC285484	0	0	0	0	0
MIR4798	0	0	0	0	0
MIR4274	0	0	0	0	0
HTRA3	0	0	0	0	0
GPR78	0	0	0	0	0
LOC650293	0	0	0	0	0
USP17L10	0	0	0	0	0
USP17L18	0	0	0	0	0
USP17L21	0	0	0	0	0
USP17L13	0	0	0	0	0
USP17L15	0	0	0	0	0
USP17L17	0	0	0	0	0
USP17L18	0	0	0	0	0
USP17L19	0	0	0	0	0
USP17L22	0	0	0	0	0
USP17L12	0	0	0	0	0
USP17L22	0	0	0	0	0
USP17L28	0	0	0	0	0
USP17L26	0	0	0	0	0
USP17L24	0	0	0	0	0
USP17L28	0	0	0	0	0
USP17L25	0	0	0	0	0
USP17L30	0	0	0	0	0
USP17L27	0	0	0	0	0
USP17L9P	0	0	0	0	0
USP17L27	0	0	0	0	0
USP17L6P	0	0	0	0	0
DRD5	0	0	0	0	0
MIR572	0	0	0	0	0
MIR5091	0	0	0	0	0
LOC152742	0	0	0	0	0
C1QTNF7	0	0	0	0	0
CD38	0	0	0	0	0
CLRN2	0	0	0	0	0
SLIT2	0	0	0	0	0
SLIT2-IT1	0	0	0	0	0
MIR218-1	0	0	0	0	0
GBA3	0	0	0	0	0

SOD3	0	0	0	0	0
SLC34A2	0	0	0	0	0
MIR4275	0	0	0	0	0
DTHD1	0	0	0	0	0
KIAA1239	0	0	0	0	0
MIR574	0	0	0	0	0
CHRNA9	0	0	0	0	0
UCHL1	0	0	0	0	0
SHISA3	0	0	0	0	0
GRXCR1	0	0	0	0	0
GABRB1	0	0	0	0	0
ZAR1	0	0	0	0	0
CWH43	0	0	0	0	0
SPATA18	0	0	0	0	0
MIR4449	0	0	0	0	0
LOC152578	0	0	0	0	0
LNX1-AS1	0	0	0	0	0
LNX1-AS2	0	0	0	0	0
GSX2	0	0	0	0	0
PDGFRA	0	0	0	0	0
KIT	0	0	0	0	0
LOC644145	0	0	0	0	0
THEGL	0	0	0	0	0
LOC255130	0	0	0	0	0
LPHN3	0	0	0	0	0
LOC100144602	0	0	0	0	0
LOC550113	0	0	0	0	0
FTLP10	0	0	0	0	0
TMPRSS11E	0	0	0	0	0
UGT2B10	0	0	0	0	0
UGT2B7	0	0	0	0	0
UGT2B28	0	0	0	0	0
CSN1S1	0	0	0	0	0
STATH	0	0	0	0	0
HTN3	0	0	0	0	0
HTN1	0	0	0	0	0
CSN1S2AP	0	0	0	0	0
CSN1S2BP	0	0	0	0	0
ODAM	0	0	0	0	0
FDCSP	0	0	0	0	0
CSN3	0	0	0	0	0
CABS1	0	0	0	0	0
SMR3A	0	0	0	0	0
SMR3B	0	0	0	0	0
PROL1	0	0	0	0	0
MUC7	0	0	0	0	0
AMTN	0	0	0	0	0
AMBN	0	0	0	0	0
SLC4A4	0	0	0	0	0
AFP	0	0	0	0	0
AFM	0	0	0	0	0
LOC728040	0	0	0	0	0
CXCL6	0	0	0	0	0
PF4V1	0	0	0	0	0
AREG	0	0	0	0	0
AREG	0	0	0	0	0
LOC441025	0	0	0	0	0
ART3	0	0	0	0	0
MIR4450	0	0	0	0	0
GDEP	0	0	0	0	0
MIR4451	0	0	0	0	0
DSPP	0	0	0	0	0
DMP1	0	0	0	0	0
IBSP	0	0	0	0	0
MEPE	0	0	0	0	0
LOC644248	0	0	0	0	0
MMRN1	0	0	0	0	0
CCSER1	0	0	0	0	0
GRID2	0	0	0	0	0
ATOH1	0	0	0	0	0
BMPR1B	0	0	0	0	0
PDHA2	0	0	0	0	0
MIR3684	0	0	0	0	0
C4orf17	0	0	0	0	0
BANK1	0	0	0	0	0
ARHGEF38-JT1	0	0	0	0	0
NPNT	0	0	0	0	0
MIR1243	0	0	0	0	0
MIR577	0	0	0	0	0

MIR1973	0	0	0	0	0
NDST3	0	0	0	0	0
CEP170P1	0	0	0	0	0
PP12613	0	0	0	0	0
LOC285419	0	0	0	0	0
FAT4	0	0	0	0	0
MIR2054	0	0	0	0	0
PCDH10	0	0	0	0	0
LINC00499	0	0	0	0	0
SCOC	0	0	0	0	0
GUSBP5	0	0	0	0	0
EDNRA	0	0	0	0	0
MIR4799	0	0	0	0	0
TLR2	0	0	0	0	0
FGB	0	0	0	0	0
RBM46	0	0	0	0	0
NPY2R	0	0	0	0	0
GUCY1A3	0	0	0	0	0
GUCY1B3	0	0	0	0	0
TDO2	0	0	0	0	0
GLRB	0	0	0	0	0
GRIA2	0	0	0	0	0
LOC340017	0	0	0	0	0
RXFP1	0	0	0	0	0
MIR3688-2	0	0	0	0	0
NPY5R	0	0	0	0	0
MIR5684	0	0	0	0	0
LOC100506013	0	0	0	0	0
FAM218A	0	0	0	0	0
CPE	0	0	0	0	0
MIR578	0	0	0	0	0
TLL1	0	0	0	0	0
ANXA10	0	0	0	0	0
LOC100506122	0	0	0	0	0
GALNTL6	0	0	0	0	0
NBLA00301	0	0	0	0	0
MIR4276	0	0	0	0	0
ADAM29	0	0	0	0	0
WDR17	0	0	0	0	0
LOC285501	0	0	0	0	0
MIR1305	0	0	0	0	0
HELT	0	0	0	0	0
F11	0	0	0	0	0
LOC401164	0	0	0	0	0
DUX2	0	0	0	0	0
DUX4L4	0	0	0	0	0
DUX4L5	0	0	0	0	0
DUX4L6	0	0	0	0	0
DUX4L4	0	0	0	0	0
DUX4	0	0	0	0	0
DUX4L3	0	0	0	0	0
DUX4	0	0	0	0	0
RNF212	0	0	0	0	0
TMED11P	0	0	0	0	0
HTT-AS1	0	0	0	0	0
LOC100133461	0	0	0	0	0
CYTL1	0	0	0	0	0
EVC2	0	0	0	0	0
MIR378D1	0	0	0	0	0
JAKMIP1	0	0	0	0	0
PSAPL1	0	0	0	0	0
HMX1	0	0	0	0	0
MIR3138	0	0	0	0	0
CLNK	0	0	0	0	0
HS3ST1	0	0	0	0	0
LOC285547	0	0	0	0	0
NKX3-2	0	0	0	0	0
LOC285548	0	0	0	0	0
LOC441009	0	0	0	0	0
FGFBP1	0	0	0	0	0
FGFBP2	0	0	0	0	0
LDB2	0	0	0	0	0
MIR548AX	0	0	0	0	0
KCNIP4-IT1	0	0	0	0	0
MIR548AJ2	0	0	0	0	0
MIR573	0	0	0	0	0
CCKAR	0	0	0	0	0
MIR4801	0	0	0	0	0
MIR4802	0	0	0	0	0

PHOX2B	0	0	0	0	0
KCTD8	0	0	0	0	0
GABRA2	0	0	0	0	0
GABRA4	0	0	0	0	0
ERVMER34-1	0	0	0	0	0
KDR	0	0	0	0	0
HOPX	0	0	0	0	0
SPINK2	0	0	0	0	0
TECRL	0	0	0	0	0
LOC401134	0	0	0	0	0
EPHA5	0	0	0	0	0
TMPRSS11A	0	0	0	0	0
TMPRSS11GP	0	0	0	0	0
TMPRSS11F	0	0	0	0	0
SYT14L	0	0	0	0	0
TMPRSS11BNL	0	0	0	0	0
TMPRSS11B	0	0	0	0	0
UGT2B17	0	0	0	0	0
UGT2B15	0	0	0	0	0
UGT2A3	0	0	0	0	0
UGT2B10	0	0	0	0	0
UGT2B11	0	0	0	0	0
UGT2B4	0	0	0	0	0
SULT1B1	0	0	0	0	0
SULT1E1	0	0	0	0	0
CSN2	0	0	0	0	0
GC	0	0	0	0	0
ADAMTS3	0	0	0	0	0
RASSF6	0	0	0	0	0
PF4	0	0	0	0	0
PPBP	0	0	0	0	0
CXCL5	0	0	0	0	0
PBPPP2	0	0	0	0	0
CXCL9	0	0	0	0	0
CXCL10	0	0	0	0	0
CXCL11	0	0	0	0	0
NAA11	0	0	0	0	0
GK2	0	0	0	0	0
PRKG2	0	0	0	0	0
LINC00575	0	0	0	0	0
MIR575	0	0	0	0	0
NKX6-1	0	0	0	0	0
MAPK10	0	0	0	0	0
MIR5705	0	0	0	0	0
GPRIN3	0	0	0	0	0
SNCA	0	0	0	0	0
HPGDS	0	0	0	0	0
UNC5C	0	0	0	0	0
ADH4	0	0	0	0	0
ADH1A	0	0	0	0	0
ADH1B	0	0	0	0	0
ADH1C	0	0	0	0	0
ADH7	0	0	0	0	0
DDIT4L	0	0	0	0	0
EMCN	0	0	0	0	0
EMCN-IT3	0	0	0	0	0
TACR3	0	0	0	0	0
GIMD1	0	0	0	0	0
DKK2	0	0	0	0	0
AGXT2L1	0	0	0	0	0
CFI	0	0	0	0	0
MIR367	0	0	0	0	0
MIR302D	0	0	0	0	0
MIR302A	0	0	0	0	0
MIR302C	0	0	0	0	0
MIR302B	0	0	0	0	0
NDST4	0	0	0	0	0
TRAM1L1	0	0	0	0	0
TNIP3	0	0	0	0	0
QRFPR	0	0	0	0	0
TMEM155	0	0	0	0	0
TRPC3	0	0	0	0	0
IL2	0	0	0	0	0
IL21	0	0	0	0	0
PABPC4L	0	0	0	0	0
LINC00616	0	0	0	0	0
LOC100129858	0	0	0	0	0
CLGN	0	0	0	0	0
UCP1	0	0	0	0	0

TBC1D9	0	0	0	0	0
TNRC18P1	0	0	0	0	0
RNF150	0	0	0	0	0
INPP4B	0	0	0	0	0
FREM3	0	0	0	0	0
GYPE	0	0	0	0	0
GYPB	0	0	0	0	0
GYP A	0	0	0	0	0
LOC100505545	0	0	0	0	0
TTC29	0	0	0	0	0
MIR3140	0	0	0	0	0
TMEM154	0	0	0	0	0
RNF175	0	0	0	0	0
SFRP2	0	0	0	0	0
DCHS2	0	0	0	0	0
FGA	0	0	0	0	0
FGG	0	0	0	0	0
MAP9	0	0	0	0	0
ASIC5	0	0	0	0	0
PDGFC	0	0	0	0	0
C4orf45	0	0	0	0	0
MIR3688-1	0	0	0	0	0
NPY1R	0	0	0	0	0
TKTL2	0	0	0	0	0
ANP32C	0	0	0	0	0
SCRG1	0	0	0	0	0
HAND2	0	0	0	0	0
GLRA3	0	0	0	0	0
ASB5	0	0	0	0	0
VEGFC	0	0	0	0	0
LINC00290	0	0	0	0	0
MIR3945	0	0	0	0	0
LOC100506229	0	0	0	0	0
PDLIM3	0	0	0	0	0
SORBS2	0	0	0	0	0
LOC285441	0	0	0	0	0
MTNR1A	0	0	0	0	0
LOC339975	0	0	0	0	0
SLC6A19	0	0	0	0	0
SLC6A18	0	0	0	0	0
IRX1	0	0	0	0	0
LOC340094	0	0	0	0	0
UBE2QL1	0	0	0	0	0
LOC255167	0	0	0	0	0
ADCY2	0	0	0	0	0
LOC100505806	0	0	0	0	0
SNORD123	0	0	0	0	0
CT49	0	0	0	0	0
FBXL7	0	0	0	0	0
BASP1	0	0	0	0	0
PMCHL1	0	0	0	0	0
PRDM9	0	0	0	0	0
LSP1P3	0	0	0	0	0
LOC340113	0	0	0	0	0
RXFP3	0	0	0	0	0
IL7R	0	0	0	0	0
SLC1A3	0	0	0	0	0
EGFLAM	0	0	0	0	0
CCDC152	0	0	0	0	0
NNT	0	0	0	0	0
HSPB3	0	0	0	0	0
SNX18	0	0	0	0	0
GZMK	0	0	0	0	0
GZMA	0	0	0	0	0
GAPT	0	0	0	0	0
RAB3C	0	0	0	0	0
RNF180	0	0	0	0	0
RGS7BP	0	0	0	0	0
FAM159B	0	0	0	0	0
SERF1A	0	0	0	0	0
CARTPT	0	0	0	0	0
MIR4803	0	0	0	0	0
MIR4804	0	0	0	0	0
TMEM171	0	0	0	0	0
TMEM174	0	0	0	0	0
SV2C	0	0	0	0	0
F2RL1	0	0	0	0	0
S100Z	0	0	0	0	0
CRHBP	0	0	0	0	0

BHMT	0	0	0	0	0
SPZ1	0	0	0	0	0
RNU5E-1	0	0	0	0	0
MIR3977	0	0	0	0	0
VCAN	0	0	0	0	0
NBPF22P	0	0	0	0	0
MIR3607	0	0	0	0	0
MIR548AO	0	0	0	0	0
GPR150	0	0	0	0	0
MIR583	0	0	0	0	0
RAB9BP1	0	0	0	0	0
LOC100289673	0	0	0	0	0
CAMK4	0	0	0	0	0
NREP-AS1	0	0	0	0	0
FLJ11235	0	0	0	0	0
KCNN2	0	0	0	0	0
ARL14EPL	0	0	0	0	0
MIR1244-2	0	0	0	0	0
PRR16	0	0	0	0	0
FTMT	0	0	0	0	0
MEGF10	0	0	0	0	0
CTXN3	0	0	0	0	0
SLC27A6	0	0	0	0	0
MIR4633	0	0	0	0	0
ADAMTS19	0	0	0	0	0
KIAA1024L	0	0	0	0	0
CHSY3	0	0	0	0	0
IL3	0	0	0	0	0
PDLIM4	0	0	0	0	0
IL4	0	0	0	0	0
SOWAHA	0	0	0	0	0
FBXL21	0	0	0	0	0
NPY6R	0	0	0	0	0
MYOT	0	0	0	0	0
PKD2L2	0	0	0	0	0
WNT8A	0	0	0	0	0
VTRNA1-1	0	0	0	0	0
VTRNA1-2	0	0	0	0	0
PCDHB1	0	0	0	0	0
PCDHB17	0	0	0	0	0
MIR5197	0	0	0	0	0
HMH1B	0	0	0	0	0
POU4F3	0	0	0	0	0
STK32A	0	0	0	0	0
JAKMIP2-AS1	0	0	0	0	0
SCGB3A2	0	0	0	0	0
SPINK5	0	0	0	0	0
SPINK14	0	0	0	0	0
SPINK6	0	0	0	0	0
SPINK13	0	0	0	0	0
SPINK7	0	0	0	0	0
SPINK9	0	0	0	0	0
ADRB2	0	0	0	0	0
CDX1	0	0	0	0	0
KIF4B	0	0	0	0	0
ITK	0	0	0	0	0
NIPAL4	0	0	0	0	0
C5orf52	0	0	0	0	0
ADRA1B	0	0	0	0	0
MIR3142	0	0	0	0	0
MIR146A	0	0	0	0	0
GABRA6	0	0	0	0	0
GABRA1	0	0	0	0	0
GABRG2	0	0	0	0	0
MIR103B1	0	0	0	0	0
DOCK2	0	0	0	0	0
MIR378E	0	0	0	0	0
FOX11	0	0	0	0	0
C5orf58	0	0	0	0	0
KCNIP1	0	0	0	0	0
GABRP	0	0	0	0	0
TLX3	0	0	0	0	0
C5orf47	0	0	0	0	0
MIR4634	0	0	0	0	0
CPLX2	0	0	0	0	0
FAM153B	0	0	0	0	0
LOC100507387	0	0	0	0	0
EIF4E1B	0	0	0	0	0
SLC34A1	0	0	0	0	0

ZNF879	0	0	0	0	0
ZNF354C	0	0	0	0	0
LINC00847	0	0	0	0	0
BTNL8	0	0	0	0	0
BTNL3	0	0	0	0	0
OR2V2	0	0	0	0	0
OR4F3	0	0	0	0	0
MIR4456	0	0	0	0	0
LOC100506688	0	0	0	0	0
MIR4635	0	0	0	0	0
MIR4457	0	0	0	0	0
MIR4277	0	0	0	0	0
LOC285577	0	0	0	0	0
MIR4278	0	0	0	0	0
MIR4454	0	0	0	0	0
C5orf49	0	0	0	0	0
MIR4636	0	0	0	0	0
TAS2R1	0	0	0	0	0
LOC285692	0	0	0	0	0
CTNND2	0	0	0	0	0
MIR4637	0	0	0	0	0
MARCH11	0	0	0	0	0
LOC285696	0	0	0	0	0
LOC401177	0	0	0	0	0
CDH18	0	0	0	0	0
CDH10	0	0	0	0	0
LOC340107	0	0	0	0	0
CDH9	0	0	0	0	0
MIR4279	0	0	0	0	0
ADAMTS12	0	0	0	0	0
SLC45A2	0	0	0	0	0
PRLR	0	0	0	0	0
CAPSL	0	0	0	0	0
UGT3A2	0	0	0	0	0
MIR580	0	0	0	0	0
GDNF	0	0	0	0	0
EGFLAM-AS4	0	0	0	0	0
LIFR	0	0	0	0	0
MIR3650	0	0	0	0	0
FYB	0	0	0	0	0
C9	0	0	0	0	0
SNORD72	0	0	0	0	0
MROH2B	0	0	0	0	0
C6	0	0	0	0	0
CCL28	0	0	0	0	0
FGF10	0	0	0	0	0
HCN1	0	0	0	0	0
MIR581	0	0	0	0	0
ESM1	0	0	0	0	0
MIR449A	0	0	0	0	0
MIR449B	0	0	0	0	0
MIR449C	0	0	0	0	0
MIR5687	0	0	0	0	0
ANKRD55	0	0	0	0	0
ACTBL2	0	0	0	0	0
HTR1A	0	0	0	0	0
CD180	0	0	0	0	0
ZNF366	0	0	0	0	0
F2RL2	0	0	0	0	0
LOC644936	0	0	0	0	0
ANKRD34B	0	0	0	0	0
HAPLN1	0	0	0	0	0
EDIL3	0	0	0	0	0
MIR4280	0	0	0	0	0
MIR3660	0	0	0	0	0
LIX1	0	0	0	0	0
SLCO4C1	0	0	0	0	0
SLCO6A1	0	0	0	0	0
TSSK1B	0	0	0	0	0
ZNF608	0	0	0	0	0
FBN2	0	0	0	0	0
MIR4460	0	0	0	0	0
MIR3936	0	0	0	0	0
IL5	0	0	0	0	0
MIR1289-2	0	0	0	0	0
LOC340073	0	0	0	0	0
C5orf20	0	0	0	0	0
TIFAB	0	0	0	0	0
NEUROG1	0	0	0	0	0

CXCL14	0	0	0	0	0
IL9	0	0	0	0	0
LECT2	0	0	0	0	0
TRPC7	0	0	0	0	0
SPOCK1	0	0	0	0	0
MIR874	0	0	0	0	0
NME5	0	0	0	0	0
SNORD63	0	0	0	0	0
LOC729080	0	0	0	0	0
ARHGAP26-AS1	0	0	0	0	0
GRXCR2	0	0	0	0	0
GPR151	0	0	0	0	0
PPP2R2B	0	0	0	0	0
PPP2R2B-IT1	0	0	0	0	0
DPYSL3	0	0	0	0	0
JAKMIP2	0	0	0	0	0
C5orf46	0	0	0	0	0
HTR4	0	0	0	0	0
CAMK2A	0	0	0	0	0
ZNF300P1	0	0	0	0	0
SLC36A3	0	0	0	0	0
SPARC	0	0	0	0	0
GLRA1	0	0	0	0	0
NMUR2	0	0	0	0	0
HAND1	0	0	0	0	0
MIR3141	0	0	0	0	0
TIMD4	0	0	0	0	0
HAVCR1	0	0	0	0	0
FAM71B	0	0	0	0	0
ADAM19	0	0	0	0	0
SOX30	0	0	0	0	0
IL12B	0	0	0	0	0
LOC285627	0	0	0	0	0
ATP10B	0	0	0	0	0
LOC285629	0	0	0	0	0
GABRB2	0	0	0	0	0
MIR103A1	0	0	0	0	0
SLIT3	0	0	0	0	0
MIR218-2	0	0	0	0	0
MIR585	0	0	0	0	0
FAM196B	0	0	0	0	0
LCP2	0	0	0	0	0
KCNMB1	0	0	0	0	0
MIR3912	0	0	0	0	0
STC2	0	0	0	0	0
FLJ16171	0	0	0	0	0
DRD1	0	0	0	0	0
SNCB	0	0	0	0	0
MIR4281	0	0	0	0	0
FAM153A	0	0	0	0	0
PROP1	0	0	0	0	0
MIR1229	0	0	0	0	0
MIR340	0	0	0	0	0
RASGEF1C	0	0	0	0	0
SCGB3A1	0	0	0	0	0
OR2Y1	0	0	0	0	0
OR2V1	0	0	0	0	0
MIR4638	0	0	0	0	0
SNORD96A	0	0	0	0	0
FOXQ1	0	0	0	0	0
FOXF2	0	0	0	0	0
FAM50B	0	0	0	0	0
PPP1R3G	0	0	0	0	0
LY86	0	0	0	0	0
MIR5689	0	0	0	0	0
TMEM170B	0	0	0	0	0
RNF182	0	0	0	0	0
MIR4639	0	0	0	0	0
STMND1	0	0	0	0	0
RBM24	0	0	0	0	0
MIR548A1	0	0	0	0	0
ID4	0	0	0	0	0
LINC00340	0	0	0	0	0
HDGFL1	0	0	0	0	0
SCGN	0	0	0	0	0
HIST1H2BA	0	0	0	0	0
HIST1H2APS1	0	0	0	0	0
SLC17A4	0	0	0	0	0
HIST1H3C	0	0	0	0	0

HIST1H4F	0	0	0	0	0
BTN1A1	0	0	0	0	0
MIR3143	0	0	0	0	0
VN1R10P	0	0	0	0	0
HIST1H2AL	0	0	0	0	0
GPX5	0	0	0	0	0
LOC100129636	0	0	0	0	0
OR2J3	0	0	0	0	0
OR2J2	0	0	0	0	0
OR14J1	0	0	0	0	0
OR12D2	0	0	0	0	0
OR10C1	0	0	0	0	0
LOC100507362	0	0	0	0	0
SNORD32B	0	0	0	0	0
MOG	0	0	0	0	0
MIR877	0	0	0	0	0
MIR4640	0	0	0	0	0
MUC21	0	0	0	0	0
MUC22	0	0	0	0	0
HCG22	0	0	0	0	0
HCG26	0	0	0	0	0
AIF1	0	0	0	0	0
LY6G6F	0	0	0	0	0
LY6G6D	0	0	0	0	0
SNORD48	0	0	0	0	0
SNORD52	0	0	0	0	0
STK19	0	0	0	0	0
HCG23	0	0	0	0	0
HLA-DRA	0	0	0	0	0
HLA-DQA1	0	0	0	0	0
HLA-DQA2	0	0	0	0	0
HLA-DPB1	0	0	0	0	0
HLA-DPB2	0	0	0	0	0
MIR219-1	0	0	0	0	0
CLPSL2	0	0	0	0	0
CLPSL1	0	0	0	0	0
PI16	0	0	0	0	0
FGD2	0	0	0	0	0
DNAH8	0	0	0	0	0
GLP1R	0	0	0	0	0
DAAM2	0	0	0	0	0
TDRG1	0	0	0	0	0
TREML4	0	0	0	0	0
TREML5P	0	0	0	0	0
NCR2	0	0	0	0	0
MIR4641	0	0	0	0	0
ATP6V0CP3	0	0	0	0	0
PTCRA	0	0	0	0	0
TTBK1	0	0	0	0	0
SLC22A7	0	0	0	0	0
CAPN11	0	0	0	0	0
MIR4642	0	0	0	0	0
ANKRD66	0	0	0	0	0
MEP1A	0	0	0	0	0
GPR111	0	0	0	0	0
OPN5	0	0	0	0	0
GLYATL3	0	0	0	0	0
TFAP2D	0	0	0	0	0
TFAP2B	0	0	0	0	0
MIR206	0	0	0	0	0
MIR133B	0	0	0	0	0
IL17A	0	0	0	0	0
MIR5685	0	0	0	0	0
MLIP-IT1	0	0	0	0	0
MLIP	0	0	0	0	0
TINAG	0	0	0	0	0
HCRTR2	0	0	0	0	0
GFRAL	0	0	0	0	0
BEND6	0	0	0	0	0
SLC25A51P1	0	0	0	0	0
BAI3	0	0	0	0	0
COL19A1	0	0	0	0	0
FAM135A	0	0	0	0	0
KHDC3L	0	0	0	0	0
RNY4	0	0	0	0	0
PRSS35	0	0	0	0	0
RIPPLY2	0	0	0	0	0
HTR1E	0	0	0	0	0
SPACA1	0	0	0	0	0

GJA10	0	0	0	0	0
MIR4464	0	0	0	0	0
MIR4643	0	0	0	0	0
TSG1	0	0	0	0	0
FUT9	0	0	0	0	0
FHL5	0	0	0	0	0
MIR2113	0	0	0	0	0
POU3F2	0	0	0	0	0
PRDM13	0	0	0	0	0
LOC728012	0	0	0	0	0
GRIK2	0	0	0	0	0
LIN28B	0	0	0	0	0
BVES-AS1	0	0	0	0	0
NR2E1	0	0	0	0	0
CCDC162P	0	0	0	0	0
GPR6	0	0	0	0	0
RFPL4B	0	0	0	0	0
FLJ34503	0	0	0	0	0
FAM26D	0	0	0	0	0
RFX6	0	0	0	0	0
VGLL2	0	0	0	0	0
LOC100287632	0	0	0	0	0
CLVS2	0	0	0	0	0
HEY2	0	0	0	0	0
RSPO3	0	0	0	0	0
TMEM200A	0	0	0	0	0
LOC100507254	0	0	0	0	0
TAAR9	0	0	0	0	0
TAAR8	0	0	0	0	0
TAAR6	0	0	0	0	0
SNORD101	0	0	0	0	0
SNORD100	0	0	0	0	0
LINC00326	0	0	0	0	0
EYA4	0	0	0	0	0
MGC34034	0	0	0	0	0
TCF21	0	0	0	0	0
LOC154092	0	0	0	0	0
LINC00271	0	0	0	0	0
LOC100132735	0	0	0	0	0
MIR3668	0	0	0	0	0
MIR4465	0	0	0	0	0
ZC2HC1B	0	0	0	0	0
GRM1	0	0	0	0	0
RAB32	0	0	0	0	0
ADGB	0	0	0	0	0
PPP1R14C	0	0	0	0	0
IYD	0	0	0	0	0
ESR1	0	0	0	0	0
OPRM1	0	0	0	0	0
MIR3692	0	0	0	0	0
SYNJ2-IT1	0	0	0	0	0
FNDC1	0	0	0	0	0
MAS1	0	0	0	0	0
LINC00602	0	0	0	0	0
TCP10L2	0	0	0	0	0
UNC93A	0	0	0	0	0
TTLL2	0	0	0	0	0
KIF25	0	0	0	0	0
MIR4644	0	0	0	0	0
LOC285768	0	0	0	0	0
MIR4645	0	0	0	0	0
PXDC1	0	0	0	0	0
MIR3691	0	0	0	0	0
F13A1	0	0	0	0	0
LY86-AS1	0	0	0	0	0
SCARNA27	0	0	0	0	0
ELOVL2	0	0	0	0	0
NHLRC1	0	0	0	0	0
LOC729177	0	0	0	0	0
PRL	0	0	0	0	0
CMAHP	0	0	0	0	0
HIST1H2AA	0	0	0	0	0
SLC17A1	0	0	0	0	0
SLC17A3	0	0	0	0	0
SLC17A2	0	0	0	0	0
HIST1H1A	0	0	0	0	0
HIST1H2BB	0	0	0	0	0
HIST1H1T	0	0	0	0	0
HIST1H4G	0	0	0	0	0

POM121L2	0	0	0	0	0
HIST1H4L	0	0	0	0	0
OR2B2	0	0	0	0	0
ZSCAN23	0	0	0	0	0
GPX6	0	0	0	0	0
ZNF311	0	0	0	0	0
OR2W1	0	0	0	0	0
OR2B3	0	0	0	0	0
OR5V1	0	0	0	0	0
OR12D3	0	0	0	0	0
OR11A1	0	0	0	0	0
MAS1L	0	0	0	0	0
UBD	0	0	0	0	0
ZFP57	0	0	0	0	0
HCG4	0	0	0	0	0
TRIM10	0	0	0	0	0
SFTA2	0	0	0	0	0
C6orf15	0	0	0	0	0
SNORD84	0	0	0	0	0
LTB	0	0	0	0	0
MIR4646	0	0	0	0	0
LY6G6E	0	0	0	0	0
MIR1236	0	0	0	0	0
TNXB	0	0	0	0	0
C6orf10	0	0	0	0	0
BTNL2	0	0	0	0	0
HLA-DQB1	0	0	0	0	0
HLA-DQB2	0	0	0	0	0
HLA-DOA	0	0	0	0	0
IP6K3	0	0	0	0	0
MLN	0	0	0	0	0
LOC100507584	0	0	0	0	0
MIR1275	0	0	0	0	0
GRM4	0	0	0	0	0
MIR5690	0	0	0	0	0
C6orf222	0	0	0	0	0
ETV7	0	0	0	0	0
MIR3925	0	0	0	0	0
MIR4462	0	0	0	0	0
MDGA1	0	0	0	0	0
LOC100131047	0	0	0	0	0
KCNK17	0	0	0	0	0
KCNK16	0	0	0	0	0
KIF6	0	0	0	0	0
MOCS1	0	0	0	0	0
FLJ41649	0	0	0	0	0
LRFN2	0	0	0	0	0
TREML1	0	0	0	0	0
TREML2	0	0	0	0	0
TREML3P	0	0	0	0	0
PGC	0	0	0	0	0
CRIP3	0	0	0	0	0
MIR586	0	0	0	0	0
PLA2G7	0	0	0	0	0
GPR116	0	0	0	0	0
RHAG	0	0	0	0	0
CRISP2	0	0	0	0	0
CRISP3	0	0	0	0	0
PGK2	0	0	0	0	0
CRISP1	0	0	0	0	0
DEFB133	0	0	0	0	0
DEFB114	0	0	0	0	0
DEFB113	0	0	0	0	0
DEFB110	0	0	0	0	0
DEFB112	0	0	0	0	0
PKHD1	0	0	0	0	0
GSTA7P	0	0	0	0	0
GSTA2	0	0	0	0	0
GSTA1	0	0	0	0	0
GSTA5	0	0	0	0	0
GSTA3	0	0	0	0	0
RPS16P5	0	0	0	0	0
HMGCLL1	0	0	0	0	0
BMP5	0	0	0	0	0
COL21A1	0	0	0	0	0
RNU6-71	0	0	0	0	0
KHDRBS2	0	0	0	0	0
COL9A1	0	0	0	0	0
MIR30C2	0	0	0	0	0

MIR30A	0	0	0	0	0
MIR4282	0	0	0	0	0
KCNQ5-AS1	0	0	0	0	0
KHDC1L	0	0	0	0	0
KHDC1	0	0	0	0	0
DPPA5	0	0	0	0	0
HTR1B	0	0	0	0	0
C6orf7	0	0	0	0	0
ELOVL4	0	0	0	0	0
ME1	0	0	0	0	0
SNAP91	0	0	0	0	0
TBX18	0	0	0	0	0
SNORD50B	0	0	0	0	0
CGA	0	0	0	0	0
CNR1	0	0	0	0	0
GABRR1	0	0	0	0	0
RRAGD	0	0	0	0	0
EPHA7	0	0	0	0	0
MIR548H3	0	0	0	0	0
MCHR2	0	0	0	0	0
SIM1	0	0	0	0	0
LINC00577	0	0	0	0	0
POPDC3	0	0	0	0	0
LOC100422737	0	0	0	0	0
SCML4	0	0	0	0	0
SLC22A16	0	0	0	0	0
LOC285758	0	0	0	0	0
HS3ST5	0	0	0	0	0
BET3L	0	0	0	0	0
FAM162B	0	0	0	0	0
GPRC6A	0	0	0	0	0
ROS1	0	0	0	0	0
FAM184A	0	0	0	0	0
MIR548B	0	0	0	0	0
LOC285762	0	0	0	0	0
TRDN	0	0	0	0	0
MIR5695	0	0	0	0	0
THEMIS	0	0	0	0	0
TMEM244	0	0	0	0	0
SAMD3	0	0	0	0	0
TAAR5	0	0	0	0	0
TAAR3	0	0	0	0	0
TAAR2	0	0	0	0	0
TAAR1	0	0	0	0	0
VNN1	0	0	0	0	0
VNN3	0	0	0	0	0
VNN2	0	0	0	0	0
HMG1P7	0	0	0	0	0
MIR3662	0	0	0	0	0
IL22RA2	0	0	0	0	0
OLIG3	0	0	0	0	0
LOC100130476	0	0	0	0	0
MIR3145	0	0	0	0	0
TXLNB	0	0	0	0	0
LOC645434	0	0	0	0	0
LOC153910	0	0	0	0	0
LOC100128176	0	0	0	0	0
NOX3	0	0	0	0	0
MIR4466	0	0	0	0	0
MIR3918	0	0	0	0	0
TAGAP	0	0	0	0	0
SNORA29	0	0	0	0	0
SLC22A2	0	0	0	0	0
PACRG-AS1	0	0	0	0	0
DKFZp451B082	0	0	0	0	0
CAHM	0	0	0	0	0
C6orf118	0	0	0	0	0
PDE10A	0	0	0	0	0
LINC00473	0	0	0	0	0
T	0	0	0	0	0
RPS6KA2-IT1	0	0	0	0	0
MIR1913	0	0	0	0	0
MIR3939	0	0	0	0	0
GPR31	0	0	0	0	0
TCP10	0	0	0	0	0
HGC6.3	0	0	0	0	0
FRMD1	0	0	0	0	0
DACT2	0	0	0	0	0
LOC154449	0	0	0	0	0

FAM20C	0	0	0	0	0
LOC100288524	0	0	0	0	0
LOC442497	0	0	0	0	0
UNCX	0	0	0	0	0
SDK1	0	0	0	0	0
NXPB1	0	0	0	0	0
PER4	0	0	0	0	0
LOC100506025	0	0	0	0	0
LRRC72	0	0	0	0	0
MACC1-AS1	0	0	0	0	0
IL6	0	0	0	0	0
SNORD93	0	0	0	0	0
NPY	0	0	0	0	0
C7orf71	0	0	0	0	0
EVX1	0	0	0	0	0
WIPF3	0	0	0	0	0
MIR550A1	0	0	0	0	0
GHRHR	0	0	0	0	0
CCDC129	0	0	0	0	0
PPP1R17	0	0	0	0	0
BMPER	0	0	0	0	0
NPSR1	0	0	0	0	0
LOC401324	0	0	0	0	0
GPR141	0	0	0	0	0
NME8	0	0	0	0	0
EPDR1	0	0	0	0	0
POU6F2	0	0	0	0	0
INHBA-AS1	0	0	0	0	0
MIR3943	0	0	0	0	0
MIR4649	0	0	0	0	0
RAMP3	0	0	0	0	0
IGFBP1	0	0	0	0	0
C7orf65	0	0	0	0	0
C7orf69	0	0	0	0	0
VWC2	0	0	0	0	0
C7orf72	0	0	0	0	0
IKZF1	0	0	0	0	0
LOC100129427	0	0	0	0	0
POM121L12	0	0	0	0	0
VSTM2A	0	0	0	0	0
LOC285878	0	0	0	0	0
DKFZp434L192	0	0	0	0	0
MIR3147	0	0	0	0	0
ZNF716	0	0	0	0	0
LOC100287704	0	0	0	0	0
MIR4283-2	0	0	0	0	0
ZNF727	0	0	0	0	0
ZNF735	0	0	0	0	0
ZNF679	0	0	0	0	0
ZNF736	0	0	0	0	0
LOC641746	0	0	0	0	0
WBSR17	0	0	0	0	0
MIR3914-2	0	0	0	0	0
MIR4650-1	0	0	0	0	0
FZD9	0	0	0	0	0
MIR4284	0	0	0	0	0
ELN	0	0	0	0	0
GATSL1	0	0	0	0	0
SPDYE8P	0	0	0	0	0
SPDYE8P	0	0	0	0	0
MIR4651	0	0	0	0	0
SNORA14A	0	0	0	0	0
RPL13AP17	0	0	0	0	0
MAG12-AS2	0	0	0	0	0
MIR548M	0	0	0	0	0
ZNF804B	0	0	0	0	0
MIR4652	0	0	0	0	0
GNGT1	0	0	0	0	0
GNG11	0	0	0	0	0
COL1A2	0	0	0	0	0
PEG10	0	0	0	0	0
DLX6	0	0	0	0	0
TAC1	0	0	0	0	0
NPTX2	0	0	0	0	0
MIR3609	0	0	0	0	0
ZAN	0	0	0	0	0
MIR4653	0	0	0	0	0
MIR4285	0	0	0	0	0
MIR4467	0	0	0	0	0

SPDYE2L	0	0	0	0	0
LHFPL3	0	0	0	0	0
PIK3CG	0	0	0	0	0
PRKAR2B	0	0	0	0	0
MIR3666	0	0	0	0	0
MDFIC	0	0	0	0	0
ANKRD7	0	0	0	0	0
KCND2	0	0	0	0	0
PTPRZ1	0	0	0	0	0
HYALP1	0	0	0	0	0
HYAL4	0	0	0	0	0
SPAM1	0	0	0	0	0
MIR593	0	0	0	0	0
MIR129-1	0	0	0	0	0
CPA5	0	0	0	0	0
CPA1	0	0	0	0	0
MIR335	0	0	0	0	0
FLJ40288	0	0	0	0	0
AKR1B15	0	0	0	0	0
STRA8	0	0	0	0	0
CHRM2	0	0	0	0	0
MIR490	0	0	0	0	0
LOC100130880	0	0	0	0	0
AKR1D1	0	0	0	0	0
MIR4468	0	0	0	0	0
CLEC2L	0	0	0	0	0
OR9A4	0	0	0	0	0
LOC93432	0	0	0	0	0
PRSS2	0	0	0	0	0
C7orf34	0	0	0	0	0
OR6V1	0	0	0	0	0
PIP	0	0	0	0	0
TAS2R39	0	0	0	0	0
TAS2R40	0	0	0	0	0
TAS2R60	0	0	0	0	0
TAS2R41	0	0	0	0	0
OR2F2	0	0	0	0	0
OR2F1	0	0	0	0	0
OR6B1	0	0	0	0	0
OR2A5	0	0	0	0	0
OR2A25	0	0	0	0	0
OR2A12	0	0	0	0	0
OR2A2	0	0	0	0	0
OR2A14	0	0	0	0	0
OR2A20P,OR2A9P	0	0	0	0	0
RNU6-57	0	0	0	0	0
MIR548AQ	0	0	0	0	0
MIR548F3	0	0	0	0	0
MIR548T	0	0	0	0	0
C7orf33	0	0	0	0	0
KRBA1	0	0	0	0	0
RNU6-33	0	0	0	0	0
LOC285972	0	0	0	0	0
GIMAP8	0	0	0	0	0
GIMAP7	0	0	0	0	0
GIMAP4	0	0	0	0	0
TMEM176A	0	0	0	0	0
WDR86-AS1	0	0	0	0	0
GALNTL5	0	0	0	0	0
DPP6	0	0	0	0	0
HTR5A	0	0	0	0	0
LOC100506585	0	0	0	0	0
MIR5707	0	0	0	0	0
LINC00689	0	0	0	0	0
MIR339	0	0	0	0	0
MIR4655	0	0	0	0	0
CARD11	0	0	0	0	0
MIR4656	0	0	0	0	0
RADIL	0	0	0	0	0
PAPOLB	0	0	0	0	0
MIR589	0	0	0	0	0
COL28A1	0	0	0	0	0
THSD7A	0	0	0	0	0
VWDE	0	0	0	0	0
AGMO	0	0	0	0	0
MEOX2	0	0	0	0	0
AGR2	0	0	0	0	0
AGR3	0	0	0	0	0
PRPS1L1	0	0	0	0	0

TWIST1	0	0	0	0	0
FERD3L	0	0	0	0	0
MIR3146	0	0	0	0	0
TMEM196	0	0	0	0	0
CLK2P	0	0	0	0	0
NPVF	0	0	0	0	0
RNU6-16	0	0	0	0	0
MIR148A	0	0	0	0	0
TRIL	0	0	0	0	0
MIR550A3	0	0	0	0	0
NEUROD6	0	0	0	0	0
PDE1C	0	0	0	0	0
LOC100130673	0	0	0	0	0
MIR550B2	0	0	0	0	0
NPSR1-AS1	0	0	0	0	0
TBX20	0	0	0	0	0
AOAH	0	0	0	0	0
AOAH-IT1	0	0	0	0	0
ELMO1	0	0	0	0	0
MIR1200	0	0	0	0	0
SFRP4	0	0	0	0	0
TARP	0	0	0	0	0
AMPH	0	0	0	0	0
POU6F2-AS1	0	0	0	0	0
GLI3	0	0	0	0	0
MYL7	0	0	0	0	0
GCK	0	0	0	0	0
IGFBP3	0	0	0	0	0
ZPBP	0	0	0	0	0
FLJ45974	0	0	0	0	0
HPVC1	0	0	0	0	0
EGFR-AS1	0	0	0	0	0
LOC650226	0	0	0	0	0
LOC100130849	0	0	0	0	0
MIR4283-2	0	0	0	0	0
GUSBP10	0	0	0	0	0
LOC100287834	0	0	0	0	0
LOC100506050	0	0	0	0	0
MIR4650-1	0	0	0	0	0
MIR3914-1	0	0	0	0	0
CCL24	0	0	0	0	0
MIR548AU	0	0	0	0	0
GNAT3	0	0	0	0	0
ABCB4	0	0	0	0	0
ABCB1	0	0	0	0	0
STEAP4	0	0	0	0	0
C7orf62	0	0	0	0	0
MTERF	0	0	0	0	0
MIR653	0	0	0	0	0
MIR489	0	0	0	0	0
TFPI2	0	0	0	0	0
MIR591	0	0	0	0	0
C7orf76	0	0	0	0	0
DLX6-AS1	0	0	0	0	0
DLX5	0	0	0	0	0
OCM2	0	0	0	0	0
MIR93	0	0	0	0	0
MIR106B	0	0	0	0	0
LHFPL3-AS1	0	0	0	0	0
LHFPL3-AS2	0	0	0	0	0
LAMB4	0	0	0	0	0
NRCAM	0	0	0	0	0
C7orf66	0	0	0	0	0
EIF3IP1	0	0	0	0	0
PPP1R3A	0	0	0	0	0
TFEC	0	0	0	0	0
ST7-AS2	0	0	0	0	0
WNT2	0	0	0	0	0
TAS2R16	0	0	0	0	0
TMEM229A	0	0	0	0	0
GPR37	0	0	0	0	0
LOC154872	0	0	0	0	0
MIR592	0	0	0	0	0
PAX4	0	0	0	0	0
MIR182	0	0	0	0	0
MIR96	0	0	0	0	0
MIR183	0	0	0	0	0
KLF14	0	0	0	0	0
MIR29A	0	0	0	0	0

MIR29B1	0	0	0	0	0
PLXNA4	0	0	0	0	0
FAM180A	0	0	0	0	0
LOC349160	0	0	0	0	0
SVOPL	0	0	0	0	0
KLRG2	0	0	0	0	0
CLEC5A	0	0	0	0	0
TAS2R38	0	0	0	0	0
MOXD2P	0	0	0	0	0
PRSS58	0	0	0	0	0
LOC730441	0	0	0	0	0
TRPV5	0	0	0	0	0
OR9A2	0	0	0	0	0
RNU6-57	0	0	0	0	0
NOBOX	0	0	0	0	0
MIR548I4	0	0	0	0	0
MIR548F4	0	0	0	0	0
RARRES2	0	0	0	0	0
GBX1	0	0	0	0	0
ASB10	0	0	0	0	0
WDR86	0	0	0	0	0
MIR3907	0	0	0	0	0
LOC100128264	0	0	0	0	0
SHH	0	0	0	0	0
MIR153-2	0	0	0	0	0
MIR595	0	0	0	0	0
ERICH1-AS1	0	0	0	0	0
DLGAP2	0	0	0	0	0
MIR596	0	0	0	0	0
MIR4659A	0	0	0	0	0
LOC100652791	0	0	0	0	0
DEFB109P1B	0	0	0	0	0
USP17L1P	0	0	0	0	0
USP17L4	0	0	0	0	0
DEFB105B	0	0	0	0	0
DEFB107A	0	0	0	0	0
FAM90A10P	0	0	0	0	0
DEFB106B	0	0	0	0	0
DEFB104B	0	0	0	0	0
SPAG11A,SPAG11B	0	0	0	0	0
DEFB103A,DEFB103B	0	0	0	0	0
DEFB4A	0	0	0	0	0
ZNF705B	0	0	0	0	0
FAM66E	0	0	0	0	0
MIR4660	0	0	0	0	0
MIR597	0	0	0	0	0
C8orf74	0	0	0	0	0
BLK	0	0	0	0	0
LINC00208	0	0	0	0	0
ZNF705D	0	0	0	0	0
FAM66D	0	0	0	0	0
FAM66A	0	0	0	0	0
MIR3926-2	0	0	0	0	0
TUSC3	0	0	0	0	0
EFHA2	0	0	0	0	0
LPL	0	0	0	0	0
LZTS1-AS1	0	0	0	0	0
LOC286114	0	0	0	0	0
ADAM28	0	0	0	0	0
ADAMDEC1	0	0	0	0	0
ADAM7	0	0	0	0	0
NEFM	0	0	0	0	0
MIR3622A	0	0	0	0	0
PNOC	0	0	0	0	0
LOC286135	0	0	0	0	0
NRG1	0	0	0	0	0
NRG1-IT3	0	0	0	0	0
UNC5D	0	0	0	0	0
KCNU1	0	0	0	0	0
ADAM5	0	0	0	0	0
LOC100130964	0	0	0	0	0
ADAM18	0	0	0	0	0
IDO2	0	0	0	0	0
C8orf4	0	0	0	0	0
CHRNA3	0	0	0	0	0
POTEA	0	0	0	0	0
LINC00293	0	0	0	0	0
C8orf22	0	0	0	0	0
SNTG1	0	0	0	0	0

NPBWR1	0	0	0	0	0
RP1	0	0	0	0	0
XKR4	0	0	0	0	0
LOC100507651	0	0	0	0	0
LOC286177	0	0	0	0	0
LINC00588	0	0	0	0	0
MIR4470	0	0	0	0	0
NKAIN3	0	0	0	0	0
UG0898H09	0	0	0	0	0
LOC100130155	0	0	0	0	0
MIR124-2	0	0	0	0	0
BHLHE22	0	0	0	0	0
LOC100505659	0	0	0	0	0
PREX2	0	0	0	0	0
LOC100132891	0	0	0	0	0
RNU6-83	0	0	0	0	0
KCNB2	0	0	0	0	0
MIR5681A	0	0	0	0	0
FLJ39080	0	0	0	0	0
MIR2052	0	0	0	0	0
PI15	0	0	0	0	0
CRISPLD1	0	0	0	0	0
PKIA	0	0	0	0	0
MIR5708	0	0	0	0	0
ZBTB10	0	0	0	0	0
RALYL	0	0	0	0	0
REXO1L2P	0	0	0	0	0
REXO1L2P	0	0	0	0	0
CNBD1	0	0	0	0	0
LINC00534	0	0	0	0	0
MIR4661	0	0	0	0	0
MIR3150A	0	0	0	0	0
KCNS2	0	0	0	0	0
MIR4471	0	0	0	0	0
FLJ42969	0	0	0	0	0
NACAP1	0	0	0	0	0
GRHL2	0	0	0	0	0
MIR5680	0	0	0	0	0
ODF1	0	0	0	0	0
MIR3151	0	0	0	0	0
DCSTAMP	0	0	0	0	0
PKHD1L1	0	0	0	0	0
MIR2053	0	0	0	0	0
AARD	0	0	0	0	0
SLC30A8	0	0	0	0	0
MAL2	0	0	0	0	0
COL14A1	0	0	0	0	0
FER1L6	0	0	0	0	0
LOC157381	0	0	0	0	0
MIR1204	0	0	0	0	0
MIR1205	0	0	0	0	0
MIR1206	0	0	0	0	0
MIR1207	0	0	0	0	0
MIR1208	0	0	0	0	0
WISP1	0	0	0	0	0
LOC286094	0	0	0	0	0
KHDRBS3	0	0	0	0	0
LOC731779	0	0	0	0	0
MIR4472-1	0	0	0	0	0
LINC00051	0	0	0	0	0
GML	0	0	0	0	0
SCXB	0	0	0	0	0
SCXA	0	0	0	0	0
OR4F21	0	0	0	0	0
LOC286083	0	0	0	0	0
CSMD1	0	0	0	0	0
MIR4659B	0	0	0	0	0
XKR5	0	0	0	0	0
DEFB1	0	0	0	0	0
DEFA4	0	0	0	0	0
DEFA8P	0	0	0	0	0
DEFA9P	0	0	0	0	0
DEFA10P	0	0	0	0	0
DEFA1B	0	0	0	0	0
DEFT1P2	0	0	0	0	0
DEFA1	0	0	0	0	0
DEFT1P2	0	0	0	0	0
DEFA1	0	0	0	0	0
DEFA11P	0	0	0	0	0

LOC349196	0	0	0	0	0
LOC349196	0	0	0	0	0
LOC349196	0	0	0	0	0
FAM66B	0	0	0	0	0
ZNF705G	0	0	0	0	0
DEFB4B	0	0	0	0	0
DEFB103A,DEFB103B	0	0	0	0	0
SPAG11B	0	0	0	0	0
DEFB104A	0	0	0	0	0
DEFB106B	0	0	0	0	0
FAM90A7P	0	0	0	0	0
FAM90A7P	0	0	0	0	0
DEFB107B	0	0	0	0	0
DEFB105A	0	0	0	0	0
USP17L8	0	0	0	0	0
DEFB109P1B	0	0	0	0	0
MIR548I3	0	0	0	0	0
LINC00599	0	0	0	0	0
MIR124-1	0	0	0	0	0
MIR1322	0	0	0	0	0
MIR598	0	0	0	0	0
LOC100133267	0	0	0	0	0
LOC392196	0	0	0	0	0
USP17L7	0	0	0	0	0
USP17L2	0	0	0	0	0
DEFB130	0	0	0	0	0
LOC649352	0	0	0	0	0
DEFB109P1	0	0	0	0	0
MIR3926-1	0	0	0	0	0
LOC340357	0	0	0	0	0
MIR383	0	0	0	0	0
FGF20	0	0	0	0	0
FGL1	0	0	0	0	0
LOC100128993	0	0	0	0	0
SLC18A1	0	0	0	0	0
LZTS1	0	0	0	0	0
GFRA2	0	0	0	0	0
LG13	0	0	0	0	0
PEBP4	0	0	0	0	0
NKX2-6	0	0	0	0	0
NEFL	0	0	0	0	0
EBF2	0	0	0	0	0
CHRNA2	0	0	0	0	0
MIR3622B	0	0	0	0	0
MIR4287	0	0	0	0	0
MIR4288	0	0	0	0	0
LINC00589	0	0	0	0	0
MIR3148	0	0	0	0	0
MIR548O2	0	0	0	0	0
TEX15	0	0	0	0	0
DUSP26	0	0	0	0	0
GOT1L1	0	0	0	0	0
ADRB3	0	0	0	0	0
C8orf86	0	0	0	0	0
ADAM3A	0	0	0	0	0
ADAM2	0	0	0	0	0
ZMAT4	0	0	0	0	0
SFRP1	0	0	0	0	0
NKX6-3	0	0	0	0	0
MIR486	0	0	0	0	0
CHRNA6	0	0	0	0	0
EFCAB1	0	0	0	0	0
SBF1P1	0	0	0	0	0
SNORD54	0	0	0	0	0
MOS	0	0	0	0	0
SDR16C5	0	0	0	0	0
PENK	0	0	0	0	0
LOC100507632	0	0	0	0	0
CYP7A1	0	0	0	0	0
TOX	0	0	0	0	0
CA8	0	0	0	0	0
LOC100130298	0	0	0	0	0
LOC401463	0	0	0	0	0
CYP7B1	0	0	0	0	0
LINC00251	0	0	0	0	0
CRH	0	0	0	0	0
PTTG3P	0	0	0	0	0
SNORD87	0	0	0	0	0
TCF24	0	0	0	0	0

PPP1R42	0	0	0	0	0
CPA6	0	0	0	0	0
LOC286189	0	0	0	0	0
EYA1	0	0	0	0	0
MSC	0	0	0	0	0
TRPA1	0	0	0	0	0
LOC392232	0	0	0	0	0
MIR5681B	0	0	0	0	0
ZFHX4-AS1	0	0	0	0	0
PMP2	0	0	0	0	0
FABP9	0	0	0	0	0
FABP4	0	0	0	0	0
CA1	0	0	0	0	0
REXO1L2P	0	0	0	0	0
REXO1L1	0	0	0	0	0
REXO1L2P	0	0	0	0	0
REXO1L1	0	0	0	0	0
REXO1L2P	0	0	0	0	0
REXO1L2P	0	0	0	0	0
REXO1L2P	0	0	0	0	0
REXO1L2P	0	0	0	0	0
PSKH2	0	0	0	0	0
SLC7A13	0	0	0	0	0
CNGB3	0	0	0	0	0
MMP16	0	0	0	0	0
CALB1	0	0	0	0	0
FLJ46284	0	0	0	0	0
C8orf87	0	0	0	0	0
MIR378D2	0	0	0	0	0
LOC100288748	0	0	0	0	0
MIR3150B	0	0	0	0	0
C8orf69	0	0	0	0	0
LOC100500773	0	0	0	0	0
TSPYL5	0	0	0	0	0
MIR599	0	0	0	0	0
MIR875	0	0	0	0	0
RGS22	0	0	0	0	0
DPYS	0	0	0	0	0
ANGPT1	0	0	0	0	0
RSPO2	0	0	0	0	0
KCNV1	0	0	0	0	0
LINC00536	0	0	0	0	0
TNFRSF11B	0	0	0	0	0
MIR4663	0	0	0	0	0
ANXA13	0	0	0	0	0
FER1L6-AS1	0	0	0	0	0
LOC727677	0	0	0	0	0
LOC728724	0	0	0	0	0
GSDMC	0	0	0	0	0
MIR5194	0	0	0	0	0
ADCY8	0	0	0	0	0
OC90	0	0	0	0	0
HHLA1	0	0	0	0	0
SLA	0	0	0	0	0
MIR30B	0	0	0	0	0
MIR30D	0	0	0	0	0
FAM135B	0	0	0	0	0
COL22A1	0	0	0	0	0
GPR20	0	0	0	0	0
MROH5	0	0	0	0	0
SLURP1	0	0	0	0	0
LYPD2	0	0	0	0	0
LY6D	0	0	0	0	0
CYP11B1	0	0	0	0	0
CYP11B2	0	0	0	0	0
LY6H	0	0	0	0	0
MIR4664	0	0	0	0	0
MIR661	0	0	0	0	0
DMRT3	0	0	0	0	0
VLDLR	0	0	0	0	0
MIR101-2	0	0	0	0	0
INSL4	0	0	0	0	0
PDCD1LG2	0	0	0	0	0
MIR4665	0	0	0	0	0
IL33	0	0	0	0	0
TPD52L3	0	0	0	0	0
LINC00583	0	0	0	0	0
LOC389705	0	0	0	0	0
MIR3152	0	0	0	0	0

MIR491	0	0	0	0	0
IFNA1	0	0	0	0	0
C9orf53	0	0	0	0	0
DMRTA1	0	0	0	0	0
IFNK	0	0	0	0	0
TMEM215	0	0	0	0	0
SPINK4	0	0	0	0	0
SNORD121B	0	0	0	0	0
LOC415056	0	0	0	0	0
MIR4667	0	0	0	0	0
RECK	0	0	0	0	0
GLIPR2	0	0	0	0	0
SPATA31A2	0	0	0	0	0
SPATA31A2	0	0	0	0	0
FAM74A1	0	0	0	0	0
SPATA31A3	0	0	0	0	0
FAM74A3	0	0	0	0	0
SPATA31A5	0	0	0	0	0
LOC643648	0	0	0	0	0
FAM95B1	0	0	0	0	0
FOXD4L4	0	0	0	0	0
CNTNAP3B	0	0	0	0	0
LOC643648	0	0	0	0	0
FAM27A	0	0	0	0	0
LOC643648	0	0	0	0	0
ANKRD20A4	0	0	0	0	0
C9orf135	0	0	0	0	0
TMC1	0	0	0	0	0
RORB	0	0	0	0	0
PCA3	0	0	0	0	0
FOXB2	0	0	0	0	0
SPATA31D5P	0	0	0	0	0
SPATA31D4	0	0	0	0	0
SPATA31D3	0	0	0	0	0
SPATA31D1	0	0	0	0	0
C9orf170	0	0	0	0	0
CTSL3P	0	0	0	0	0
CTSL1P8	0	0	0	0	0
SPATA31E1	0	0	0	0	0
SPATA31C1	0	0	0	0	0
MIR3153	0	0	0	0	0
UNQ6494	0	0	0	0	0
MIR3910-1	0	0	0	0	0
LINC00475	0	0	0	0	0
SUSD3	0	0	0	0	0
MIR4291	0	0	0	0	0
MIRLET7A1	0	0	0	0	0
MIRLET7F1	0	0	0	0	0
MIR2278	0	0	0	0	0
MIR23B	0	0	0	0	0
MIR27B	0	0	0	0	0
MIR24-1	0	0	0	0	0
LOC441455	0	0	0	0	0
FOXE1	0	0	0	0	0
COL15A1	0	0	0	0	0
LPPR1	0	0	0	0	0
CYLC2	0	0	0	0	0
OR13F1	0	0	0	0	0
OR13C8	0	0	0	0	0
OR13D1	0	0	0	0	0
MUSK	0	0	0	0	0
MIR4668	0	0	0	0	0
BSPRY	0	0	0	0	0
MIR455	0	0	0	0	0
DEC1	0	0	0	0	0
LOC100128505	0	0	0	0	0
TLR4	0	0	0	0	0
OR1J2	0	0	0	0	0
OR1J4	0	0	0	0	0
OR1N2	0	0	0	0	0
OR1L1	0	0	0	0	0
OR1L3	0	0	0	0	0
OR1L4	0	0	0	0	0
OR5C1	0	0	0	0	0
OR1K1	0	0	0	0	0
LHX2	0	0	0	0	0
GPR144	0	0	0	0	0
MIR181A2HG	0	0	0	0	0
MIR181A2	0	0	0	0	0

MIR181B2	0	0	0	0	0
MIR2861,MIR3960	0	0	0	0	0
MIR2964A	0	0	0	0	0
C9orf106	0	0	0	0	0
PRRX2	0	0	0	0	0
SNORD62A	0	0	0	0	0
SNORD62B	0	0	0	0	0
CELP	0	0	0	0	0
SNORD24	0	0	0	0	0
SNORD36B	0	0	0	0	0
SNORD36A	0	0	0	0	0
SNORD36C	0	0	0	0	0
DBH	0	0	0	0	0
MIR4669	0	0	0	0	0
FCN2	0	0	0	0	0
OLFM1	0	0	0	0	0
LOC401557	0	0	0	0	0
C9orf62	0	0	0	0	0
OBP2A	0	0	0	0	0
LCN9	0	0	0	0	0
MIR126	0	0	0	0	0
MIR4292	0	0	0	0	0
MIR4479	0	0	0	0	0
PTGDS	0	0	0	0	0
LCNL1	0	0	0	0	0
MIR602	0	0	0	0	0
FAM138C	0	0	0	0	0
INSL6	0	0	0	0	0
PTPRD	0	0	0	0	0
MPDZ	0	0	0	0	0
CER1	0	0	0	0	0
FREM1	0	0	0	0	0
MIR4473	0	0	0	0	0
MIR4474	0	0	0	0	0
IFNB1	0	0	0	0	0
IFNW1	0	0	0	0	0
IFNA21	0	0	0	0	0
IFNA4	0	0	0	0	0
IFNA7	0	0	0	0	0
IFNA10	0	0	0	0	0
IFNA16	0	0	0	0	0
IFNA14	0	0	0	0	0
IFNA22P	0	0	0	0	0
IFNA5	0	0	0	0	0
IFNA6	0	0	0	0	0
IFNA13	0	0	0	0	0
IFNA2	0	0	0	0	0
MIR31	0	0	0	0	0
ELAVL2	0	0	0	0	0
IZUMO3	0	0	0	0	0
LINGO2	0	0	0	0	0
MIR876	0	0	0	0	0
MIR873	0	0	0	0	0
LOC401497	0	0	0	0	0
TAF1L	0	0	0	0	0
AQP7	0	0	0	0	0
SUGT1P1	0	0	0	0	0
SNORD121A	0	0	0	0	0
CCL27	0	0	0	0	0
CCL19	0	0	0	0	0
CCL21	0	0	0	0	0
FAM205A	0	0	0	0	0
FAM205B	0	0	0	0	0
SIT1	0	0	0	0	0
FAM221B	0	0	0	0	0
OR2S2	0	0	0	0	0
MIR4475	0	0	0	0	0
PAX5	0	0	0	0	0
MIR4540	0	0	0	0	0
MIR4476	0	0	0	0	0
CNTNAP3	0	0	0	0	0
SPATA31A4	0	0	0	0	0
LOC653501,ZNF658B	0	0	0	0	0
FAM95B1	0	0	0	0	0
ANKRD20A2,ANKRD20A3	0	0	0	0	0
LOC642929	0	0	0	0	0
SPATA31A6	0	0	0	0	0
FAM74A2,FAM74A4	0	0	0	0	0
SPATA31A5	0	0	0	0	0

LOC286297	0	0	0	0	0
FAM27B	0	0	0	0	0
FOXDL4	0	0	0	0	0
PRKACG	0	0	0	0	0
LOC494558	0	0	0	0	0
MIR204	0	0	0	0	0
C9orf57	0	0	0	0	0
MIR548H3	0	0	0	0	0
VPS13A-AS1	0	0	0	0	0
MIR7-1	0	0	0	0	0
LOC494127	0	0	0	0	0
LOC392364	0	0	0	0	0
SPATA31C2	0	0	0	0	0
LOC286238	0	0	0	0	0
MIR4289	0	0	0	0	0
LOC286370	0	0	0	0	0
MIR4290	0	0	0	0	0
LOC340515	0	0	0	0	0
DIRAS2	0	0	0	0	0
LOC100129316	0	0	0	0	0
MIR3910-2	0	0	0	0	0
ROR2	0	0	0	0	0
MIR4670	0	0	0	0	0
FBP1	0	0	0	0	0
MIR3074	0	0	0	0	0
LINC00092	0	0	0	0	0
LOC158434	0	0	0	0	0
LOC286359	0	0	0	0	0
HEMGN	0	0	0	0	0
PPP3R2	0	0	0	0	0
OR13C4	0	0	0	0	0
OR13C3	0	0	0	0	0
OR13C5	0	0	0	0	0
OR13C2	0	0	0	0	0
OR13C9	0	0	0	0	0
MIR548Q	0	0	0	0	0
MIR32	0	0	0	0	0
FRRS1L	0	0	0	0	0
TXNDC8	0	0	0	0	0
LPAR1	0	0	0	0	0
OR2K2	0	0	0	0	0
LRRC37A5P	0	0	0	0	0
AMBP	0	0	0	0	0
LOC100505478	0	0	0	0	0
TNFSF8	0	0	0	0	0
TNC	0	0	0	0	0
LINC00474	0	0	0	0	0
SNORA70C	0	0	0	0	0
DBC1	0	0	0	0	0
MIR147A	0	0	0	0	0
MIR4478	0	0	0	0	0
LHX6	0	0	0	0	0
OR1J1	0	0	0	0	0
OR1N1	0	0	0	0	0
OR1L8	0	0	0	0	0
OR1B1	0	0	0	0	0
SNORD90	0	0	0	0	0
MIR601	0	0	0	0	0
MIR4672	0	0	0	0	0
MIR199B	0	0	0	0	0
MIR3154	0	0	0	0	0
MIR219-2	0	0	0	0	0
GBGT1	0	0	0	0	0
OBP2B	0	0	0	0	0
TMEM8C	0	0	0	0	0
FAM163B	0	0	0	0	0
MIR3689A,MIR3689E	0	0	0	0	0
MIR3689C	0	0	0	0	0
MIR3689D1	0	0	0	0	0
MIR3689B	0	0	0	0	0
MIR3689D2	0	0	0	0	0
MIR3689F	0	0	0	0	0
FCN1	0	0	0	0	0
GLT6D1	0	0	0	0	0
SOHLH1	0	0	0	0	0
MIR4673	0	0	0	0	0
MIR4674	0	0	0	0	0
LCN6	0	0	0	0	0
LCN8	0	0	0	0	0

MIR3621	0	0	0	0	0
PLCXD1	0	0	0	0	0
LINC00685	0	0	0	0	0
SHOX	0	0	0	0	0
CSF2RA	0	0	0	0	0
MIR3690	0	0	0	0	0
IL3RA	0	0	0	0	0
ASMTL-AS1	0	0	0	0	0
AKAP17A,ASMT	0	0	0	0	0
CD99P1	0	0	0	0	0
CD99	0	0	0	0	0
GYG2	0	0	0	0	0
ARSH	0	0	0	0	0
ARSF	0	0	0	0	0
MIR4767	0	0	0	0	0
MIR651	0	0	0	0	0
CLCN4	0	0	0	0	0
AMELX	0	0	0	0	0
FRMPD4	0	0	0	0	0
TLR8	0	0	0	0	0
LOC100093698	0	0	0	0	0
LOC100133123	0	0	0	0	0
EGFL6	0	0	0	0	0
BMX	0	0	0	0	0
S100G	0	0	0	0	0
MIR4768	0	0	0	0	0
CNKSR2	0	0	0	0	0
ZNF645	0	0	0	0	0
DDX53	0	0	0	0	0
PTCHD1	0	0	0	0	0
SUPT20HL1	0	0	0	0	0
SCARNA23	0	0	0	0	0
MAGEB18	0	0	0	0	0
MAGEB5	0	0	0	0	0
VENTXP1	0	0	0	0	0
DCAF8L2	0	0	0	0	0
IL1RAPL1	0	0	0	0	0
MAGEB3	0	0	0	0	0
MAGEB1,MAGEB4	0	0	0	0	0
FAM47B	0	0	0	0	0
MAGEB16	0	0	0	0	0
FAM47C	0	0	0	0	0
CXorf27	0	0	0	0	0
SYTL5	0	0	0	0	0
MPC1L	0	0	0	0	0
DUSP21	0	0	0	0	0
RGN	0	0	0	0	0
ZNF157	0	0	0	0	0
SNORA11C	0	0	0	0	0
MIR4769	0	0	0	0	0
CXXC1P1	0	0	0	0	0
SPACA5,SPACA5B	0	0	0	0	0
SSX6	0	0	0	0	0
SPACA5,SPACA5B	0	0	0	0	0
SSX1	0	0	0	0	0
SSX4B	0	0	0	0	0
GLOD5	0	0	0	0	0
GATA1	0	0	0	0	0
GAGE10	0	0	0	0	0
GAGE12J	0	0	0	0	0
GAGE12D,GAGE12F,GAGE13,G	0	0	0	0	0
GAGE12D	0	0	0	0	0
GAGE12D,GAGE12F	0	0	0	0	0
GAGE12D,GAGE12F	0	0	0	0	0
GAGE12D	0	0	0	0	0
GAGE2A	0	0	0	0	0
GAGE1	0	0	0	0	0
MIR532	0	0	0	0	0
MIR188	0	0	0	0	0
MIR500A	0	0	0	0	0
MIR362	0	0	0	0	0
MIR501	0	0	0	0	0
MIR500B	0	0	0	0	0
MIR660	0	0	0	0	0
MIR502	0	0	0	0	0
BMP15	0	0	0	0	0
NUDT10	0	0	0	0	0
CENPV2	0	0	0	0	0
MAGED4	0	0	0	0	0

XAGE2,XAGE2B	0	0	0	0	0
XAGE1C,XAGE1E	0	0	0	0	0
XAGE1B,XAGE1C	0	0	0	0	0
SSX8	0	0	0	0	0
SSX2,SSX2B	0	0	0	0	0
XAGE5	0	0	0	0	0
FAM156A,FAM156B	0	0	0	0	0
PAGE5	0	0	0	0	0
MIR4536-1	0	0	0	0	0
MAGEH1	0	0	0	0	0
FOXR2	0	0	0	0	0
MIR223	0	0	0	0	0
FAM155B	0	0	0	0	0
EDA	0	0	0	0	0
MIR676	0	0	0	0	0
AWAT1	0	0	0	0	0
ARR3	0	0	0	0	0
GJB1	0	0	0	0	0
FLJ46446	0	0	0	0	0
CXorf49B	0	0	0	0	0
NHSL2	0	0	0	0	0
FLJ44635	0	0	0	0	0
DMRTC1B	0	0	0	0	0
LINC00684	0	0	0	0	0
PABPC1L2B	0	0	0	0	0
CDX4	0	0	0	0	0
MIR374C	0	0	0	0	0
ZCCHC13	0	0	0	0	0
MAGEE1	0	0	0	0	0
FGF16	0	0	0	0	0
LPAR4	0	0	0	0	0
P2RY10	0	0	0	0	0
GPR174	0	0	0	0	0
TBX22	0	0	0	0	0
FAM46D	0	0	0	0	0
POU3F4	0	0	0	0	0
CYLC1	0	0	0	0	0
UBE2DNL	0	0	0	0	0
DACH2	0	0	0	0	0
KLHL4	0	0	0	0	0
CPXCR1	0	0	0	0	0
TGIF2LX	0	0	0	0	0
PABPC5	0	0	0	0	0
TNMD	0	0	0	0	0
NXF2B	0	0	0	0	0
NXF4	0	0	0	0	0
TCEAL7	0	0	0	0	0
PLP1	0	0	0	0	0
TMSB15B	0	0	0	0	0
H2BFXP	0	0	0	0	0
H2BFM	0	0	0	0	0
ZCCHC18	0	0	0	0	0
IL1RAPL2	0	0	0	0	0
NRK	0	0	0	0	0
MUM1L1	0	0	0	0	0
RNF128	0	0	0	0	0
COL4A5	0	0	0	0	0
MIR3978	0	0	0	0	0
TDGF1P3	0	0	0	0	0
PAK3	0	0	0	0	0
DKFZp686D0853	0	0	0	0	0
TRPC5OS	0	0	0	0	0
HTR2C	0	0	0	0	0
SNORA35	0	0	0	0	0
MIR764	0	0	0	0	0
MIR1912	0	0	0	0	0
MIR1264	0	0	0	0	0
MIR1298	0	0	0	0	0
MIR1911	0	0	0	0	0
MIR448	0	0	0	0	0
RBMXL3	0	0	0	0	0
SLC6A14	0	0	0	0	0
MIR1277	0	0	0	0	0
AKAP14	0	0	0	0	0
RHOXF2B	0	0	0	0	0
ATP1B4	0	0	0	0	0
LOC100129520	0	0	0	0	0
CXorf64	0	0	0	0	0
XPNPEP2	0	0	0	0	0

SASH3	0	0	0	0	0
ARHGAP36	0	0	0	0	0
OR13H1	0	0	0	0	0
HS6ST2-AS1	0	0	0	0	0
CCDC160	0	0	0	0	0
SMIM10	0	0	0	0	0
FAM127A	0	0	0	0	0
LINC00086	0	0	0	0	0
CT45A1	0	0	0	0	0
CT45A2,CT45A3,CT45A4	0	0	0	0	0
SAGE1	0	0	0	0	0
GPR112	0	0	0	0	0
BRS3	0	0	0	0	0
VGLL1	0	0	0	0	0
MIR934	0	0	0	0	0
LOC100128420	0	0	0	0	0
ZIC3	0	0	0	0	0
FGF13-AS1	0	0	0	0	0
SRD5A1P1	0	0	0	0	0
F9	0	0	0	0	0
LOC389895	0	0	0	0	0
RP1-177G6.2	0	0	0	0	0
SPANXB2	0	0	0	0	0
SPANXB1	0	0	0	0	0
SPANXA2-OT1	0	0	0	0	0
SPANXA2	0	0	0	0	0
MAGEC3	0	0	0	0	0
MAGEC1	0	0	0	0	0
SPANXN4	0	0	0	0	0
UBE2NL	0	0	0	0	0
SPANXN1	0	0	0	0	0
TMEM257	0	0	0	0	0
CXorf51B	0	0	0	0	0
AFF2	0	0	0	0	0
MAGEA11	0	0	0	0	0
HSFX2	0	0	0	0	0
MAGEA9B	0	0	0	0	0
MIR2114	0	0	0	0	0
MIR4330	0	0	0	0	0
GPR50	0	0	0	0	0
PASD1	0	0	0	0	0
PRRG3	0	0	0	0	0
FATE1	0	0	0	0	0
CNGA2	0	0	0	0	0
GABRQ	0	0	0	0	0
MAGEA6	0	0	0	0	0
MAGEA2,MAGEA2B	0	0	0	0	0
CSAG2,CSAG3	0	0	0	0	0
PNMA3	0	0	0	0	0
PNMA6C,PNMA6D	0	0	0	0	0
ZFP92	0	0	0	0	0
DUSP9	0	0	0	0	0
AVPR2	0	0	0	0	0
MIR3202-1	0	0	0	0	0
OPN1MW	0	0	0	0	0
OPN1MW	0	0	0	0	0
FAM223B	0	0	0	0	0
CTAG1B	0	0	0	0	0
SNORA56	0	0	0	0	0
H2AFB1	0	0	0	0	0
H2AFB3	0	0	0	0	0
F8A1	0	0	0	0	0
MIR1184-3	0	0	0	0	0
TMLHE-AS1	0	0	0	0	0
SPRY3	0	0	0	0	0
VAMP7	0	0	0	0	0
IL9R	0	0	0	0	0
GTPBP6	0	0	0	0	0
PPP2R3B	0	0	0	0	0
CRLF2	0	0	0	0	0
SLC25A6	0	0	0	0	0
ASMTL	0	0	0	0	0
P2RY8	0	0	0	0	0
DHRX,ZBED1	0	0	0	0	0
ARSE	0	0	0	0	0
MXRA5	0	0	0	0	0
NLGN4X	0	0	0	0	0
MIR4770	0	0	0	0	0
VCX2	0	0	0	0	0

KAL1	0	0	0	0	0
FAM9A	0	0	0	0	0
FAM9B	0	0	0	0	0
ARHGAP6	0	0	0	0	0
TLR8-AS1	0	0	0	0	0
FAM9C	0	0	0	0	0
ATXN3L	0	0	0	0	0
ASB9	0	0	0	0	0
ASB11	0	0	0	0	0
RAI2	0	0	0	0	0
SCML2	0	0	0	0	0
MIR23C	0	0	0	0	0
KLHL34	0	0	0	0	0
SMPX	0	0	0	0	0
PHEX-AS1	0	0	0	0	0
LOC100873065	0	0	0	0	0
SUPT20HL2	0	0	0	0	0
PCYT1B	0	0	0	0	0
SMEK3P	0	0	0	0	0
DCAF8L1	0	0	0	0	0
NR0B1	0	0	0	0	0
CXorf21	0	0	0	0	0
FTHL17	0	0	0	0	0
DMD	0	0	0	0	0
FAM47A	0	0	0	0	0
TMEM47	0	0	0	0	0
LOC286442	0	0	0	0	0
LOC100132831	0	0	0	0	0
PPP1R2P9	0	0	0	0	0
MAOB	0	0	0	0	0
NDP	0	0	0	0	0
EFHC2	0	0	0	0	0
MIR222	0	0	0	0	0
SSX5	0	0	0	0	0
SSX9	0	0	0	0	0
SSX3	0	0	0	0	0
SSX4B	0	0	0	0	0
CACNA1F	0	0	0	0	0
PAGE1	0	0	0	0	0
AKAP4	0	0	0	0	0
DGKK	0	0	0	0	0
NUDT11	0	0	0	0	0
CENPVP2	0	0	0	0	0
MAGED4,MAGED4B	0	0	0	0	0
SNORA11D	0	0	0	0	0
SNORA11E	0	0	0	0	0
XAGE1B,XAGE1D	0	0	0	0	0
XAGE2,XAGE2B	0	0	0	0	0
XAGE1C	0	0	0	0	0
XAGE1A,XAGE1C	0	0	0	0	0
SSX7	0	0	0	0	0
SSX2	0	0	0	0	0
SPANXN5	0	0	0	0	0
XAGE3	0	0	0	0	0
MIR98	0	0	0	0	0
MIRLET7F2	0	0	0	0	0
ITIH6	0	0	0	0	0
PAGE3	0	0	0	0	0
USP51	0	0	0	0	0
ZXDA	0	0	0	0	0
MIR1468	0	0	0	0	0
ASB12	0	0	0	0	0
MTMR8	0	0	0	0	0
FRMD8P1	0	0	0	0	0
VSIG4	0	0	0	0	0
TEX11	0	0	0	0	0
SLC7A3	0	0	0	0	0
CXorf65	0	0	0	0	0
CXCR3	0	0	0	0	0
CXorf49B	0	0	0	0	0
LINC00684	0	0	0	0	0
DMRTC1B	0	0	0	0	0
PABPC1L2A	0	0	0	0	0
MIR421	0	0	0	0	0
MIR374B	0	0	0	0	0
MIR545	0	0	0	0	0
MIR374A	0	0	0	0	0
KIAA2022	0	0	0	0	0
MAGEE2	0	0	0	0	0

MIR384	0	0	0	0	0
CYSLTR1	0	0	0	0	0
ZCCHC5	0	0	0	0	0
MIR4328	0	0	0	0	0
ITM2A	0	0	0	0	0
HDX	0	0	0	0	0
NAP1L3	0	0	0	0	0
LOC643486	0	0	0	0	0
LOC442459	0	0	0	0	0
NXF5	0	0	0	0	0
NXF2	0	0	0	0	0
TMSB15A	0	0	0	0	0
BEX1	0	0	0	0	0
NXF3	0	0	0	0	0
BEX2	0	0	0	0	0
GLRA4	0	0	0	0	0
H2BFWT	0	0	0	0	0
H2BFXP	0	0	0	0	0
ESX1	0	0	0	0	0
TEX13A	0	0	0	0	0
SERPINA7	0	0	0	0	0
NUP62CL	0	0	0	0	0
IRS4	0	0	0	0	0
GUCY2F	0	0	0	0	0
SNORD96B	0	0	0	0	0
CHRDL1	0	0	0	0	0
RNU6-28	0	0	0	0	0
LHFPL1	0	0	0	0	0
MIR4329	0	0	0	0	0
LRCH2	0	0	0	0	0
CXorf61	0	0	0	0	0
KLHL13	0	0	0	0	0
MIR766	0	0	0	0	0
RHOXF2B	0	0	0	0	0
RHOXF1	0	0	0	0	0
CT47B1	0	0	0	0	0
CT47A1,CT47A4	0	0	0	0	0
CT47A8	0	0	0	0	0
CT47A11	0	0	0	0	0
CT47A5	0	0	0	0	0
CT47A3	0	0	0	0	0
CT47A7	0	0	0	0	0
CT47A1,CT47A2,CT47A6	0	0	0	0	0
CT47A2	0	0	0	0	0
CT47A9	0	0	0	0	0
CT47A8	0	0	0	0	0
CT47A6	0	0	0	0	0
TENM1	0	0	0	0	0
DCAF12L2	0	0	0	0	0
DCAF12L1	0	0	0	0	0
ACTRT1	0	0	0	0	0
SMARCA1	0	0	0	0	0
GPR119	0	0	0	0	0
FRMD7	0	0	0	0	0
HS6ST2	0	0	0	0	0
USP26	0	0	0	0	0
TFDP3	0	0	0	0	0
GPC3	0	0	0	0	0
MIR363	0	0	0	0	0
MIR92A2	0	0	0	0	0
MIR19B2	0	0	0	0	0
MIR20B	0	0	0	0	0
MIR18B	0	0	0	0	0
MIR106A	0	0	0	0	0
MIR450B	0	0	0	0	0
MIR450A1	0	0	0	0	0
MIR450A2	0	0	0	0	0
MIR542	0	0	0	0	0
MGC16121,MIR424	0	0	0	0	0
MIR503	0	0	0	0	0
FAM127C	0	0	0	0	0
FAM127B	0	0	0	0	0
LINC00087	0	0	0	0	0
CT45A4	0	0	0	0	0
CT45A6	0	0	0	0	0
SNORD61	0	0	0	0	0
GPR101	0	0	0	0	0
LOC158696	0	0	0	0	0
MIR504	0	0	0	0	0

MIR505	0	0	0	0	0
CXorf66	0	0	0	0	0
SOX3	0	0	0	0	0
CDR1	0	0	0	0	0
MIR320D2	0	0	0	0	0
LDOC1	0	0	0	0	0
SPANXC	0	0	0	0	0
SPANXA2	0	0	0	0	0
MAGEC2	0	0	0	0	0
SPANXN3	0	0	0	0	0
SLITRK4	0	0	0	0	0
SPANXN2	0	0	0	0	0
MIR890	0	0	0	0	0
MIR888	0	0	0	0	0
MIR892A	0	0	0	0	0
MIR892B	0	0	0	0	0
MIR891B	0	0	0	0	0
MIR891A	0	0	0	0	0
CXorf51A	0	0	0	0	0
MIR506	0	0	0	0	0
MIR507	0	0	0	0	0
MIR508	0	0	0	0	0
MIR514B	0	0	0	0	0
MIR509-1	0	0	0	0	0
MIR509-3	0	0	0	0	0
MIR509-1	0	0	0	0	0
MIR510	0	0	0	0	0
MIR514A1	0	0	0	0	0
MIR514A2	0	0	0	0	0
MIR514A3	0	0	0	0	0
MAGEA9B	0	0	0	0	0
HSFX2	0	0	0	0	0
GABRE	0	0	0	0	0
MIR452	0	0	0	0	0
GABRA3	0	0	0	0	0
MIR105-1	0	0	0	0	0
MIR767	0	0	0	0	0
MIR105-2	0	0	0	0	0
CSAG2,CSAG3	0	0	0	0	0
MAGEA2,MAGEA2B	0	0	0	0	0
MAGEA3	0	0	0	0	0
PNMA5	0	0	0	0	0
PNMA6D	0	0	0	0	0
MAGEA1	0	0	0	0	0
PDZD4	0	0	0	0	0
MIR3202-2	0	0	0	0	0
MIR718	0	0	0	0	0
TEX28	0	0	0	0	0
CTAG1A	0	0	0	0	0
CTAG2	0	0	0	0	0
MIR1184-1	0	0	0	0	0
MIR1184-3	0	0	0	0	0
F8A1	0	0	0	0	0
H2AFB3	0	0	0	0	0
PLCXD1	0	0	0	0	0
LINC00685	0	0	0	0	0
SHOX	0	0	0	0	0
CSF2RA	0	0	0	0	0
MIR3690	0	0	0	0	0
IL3RA	0	0	0	0	0
ASMTL-AS1	0	0	0	0	0
AKAP17A,ASMT	0	0	0	0	0
CD99P1	0	0	0	0	0
CD99	0	0	0	0	0
XGPY2	0	0	0	0	0
RPS4Y1	0	0	0	0	0
ZFY	0	0	0	0	0
LINC00278	0	0	0	0	0
TGIF2LY	0	0	0	0	0
TSPY2	0	0	0	0	0
TTY1B	0	0	0	0	0
TTY21	0	0	0	0	0
TTY7,TTY7B	0	0	0	0	0
TBL1Y	0	0	0	0	0
PRKY	0	0	0	0	0
TTY12	0	0	0	0	0
TTY19	0	0	0	0	0
TSPY3,TSPY4,TSPY8	0	0	0	0	0
TSPY1	0	0	0	0	0

TTY8B	0	0	0	0	0
TTY2	0	0	0	0	0
TTY22	0	0	0	0	0
TTY23B	0	0	0	0	0
TTY15	0	0	0	0	0
USP9Y	0	0	0	0	0
DDX3Y	0	0	0	0	0
TMSB4Y	0	0	0	0	0
VCY	0	0	0	0	0
NLGN4Y	0	0	0	0	0
FAM41AY1	0	0	0	0	0
CDY2A,CDY2B	0	0	0	0	0
XKRY	0	0	0	0	0
FAM224A,FAM224B	0	0	0	0	0
HSFY1,HSFY2	0	0	0	0	0
TTY9A	0	0	0	0	0
TXLNG2P	0	0	0	0	0
EIF1AY	0	0	0	0	0
RPS4Y2	0	0	0	0	0
RBM1B	0	0	0	0	0
RBM1B	0	0	0	0	0
TTY6,TTY6B	0	0	0	0	0
RBM1F,RBM1J	0	0	0	0	0
PRY2	0	0	0	0	0
TTY17C	0	0	0	0	0
TTY4	0	0	0	0	0
BPY2	0	0	0	0	0
DAZ2,DAZ3,DAZ4	0	0	0	0	0
TTY17C	0	0	0	0	0
TTY4	0	0	0	0	0
BPY2	0	0	0	0	0
DAZ2,DAZ3,DAZ4	0	0	0	0	0
GOLGA2P2Y	0	0	0	0	0
CSPG4P1Y	0	0	0	0	0
CDY1	0	0	0	0	0
TTY3	0	0	0	0	0
SPRY3	0	0	0	0	0
VAMP7	0	0	0	0	0
IL9R	0	0	0	0	0
GTPBP6	0	0	0	0	0
PPP2R3B	0	0	0	0	0
CRLF2	0	0	0	0	0
SLC25A6	0	0	0	0	0
ASMTL	0	0	0	0	0
P2RY8	0	0	0	0	0
DHRX,ZBED1	0	0	0	0	0
SRY	0	0	0	0	0
TTY23B	0	0	0	0	0
TTY2	0	0	0	0	0
TTY8B	0	0	0	0	0
AMELY	0	0	0	0	0
TTY16	0	0	0	0	0
TTY18	0	0	0	0	0
TTY11	0	0	0	0	0
RBM1A3P	0	0	0	0	0
TTY20	0	0	0	0	0
FAM197Y5	0	0	0	0	0
FAM197Y5	0	0	0	0	0
FAM197Y2	0	0	0	0	0
FAM197Y2	0	0	0	0	0
FAM197Y2	0	0	0	0	0
RBM3AP	0	0	0	0	0
TTY7,TTY7B	0	0	0	0	0
TTY21	0	0	0	0	0
TTY1B	0	0	0	0	0
VCY	0	0	0	0	0
NLGN4Y-AS1	0	0	0	0	0
FAM224A,FAM224B	0	0	0	0	0
XKRY2	0	0	0	0	0
CDY2A,CDY2B	0	0	0	0	0
FAM41AY2	0	0	0	0	0
TTY9B	0	0	0	0	0
HSFY1,HSFY2	0	0	0	0	0
NCRNA00185	0	0	0	0	0
TTY14	0	0	0	0	0
BCORP1	0	0	0	0	0
KDM5D	0	0	0	0	0
TTY10	0	0	0	0	0
RBM2EP	0	0	0	0	0

TTY13	0	0	0	0	0
RBM1B	0	0	0	0	0
RBM1B	0	0	0	0	0
PRY	0	0	0	0	0
RBM1J	0	0	0	0	0
TTY5	0	0	0	0	0
TTY6,TTY6B	0	0	0	0	0
DAZ1,DAZ4	0	0	0	0	0
TTY3B	0	0	0	0	0
CDY1	0	0	0	0	0
CSPG4P1Y	0	0	0	0	0
GOLGA2P2Y	0	0	0	0	0
DAZ3,DAZ4	0	0	0	0	0
BPY2C	0	0	0	0	0
TTY4B	0	0	0	0	0
TTY17B	0	0	0	0	0
KIF26A	2.88718	2.53761	2.9022	3.4244	2.51024
CDK19	1.33316	1.82348	1.69195	1.33688	1.7966
RPP38	22.8127	27.5767	28.2942	24.6684	25.9247
ALDH1B1	18.0637	24.6417	18.4427	18.4107	23.8967
ASPHD2	3.28333	3.96414	3.8563	3.48458	3.91365
SASS6	1.65656	1.34517	1.63159	1.73709	1.2605
PTK2	27.4655	26.9021	26.262	25.707	29.2936
DOCK7	3.76441	3.20212	3.23758	3.68831	3.27503
UBE2L6	28.7152	33.5105	24.073	29.1533	33.1871
FZD3	1.20137	1.61287	1.11795	1.07142	1.68431
DNAJC5	13.9876	14.1371	12.7577	13.2881	14.8143
ESPL1	5.85775	4.79406	5.17498	6.29164	4.56625
RBL2	3.85163	3.33931	4.28657	4.18294	3.6427
EHMT1	12.0266	10.7616	12.0648	12.6762	10.9544
ZNF430	1.10642	1.2599	1.21293	0.991446	1.61538
NUDT7	5.23232	3.76536	4.79089	5.27641	3.88036
RPS15A	3983.22	5581.08	4329.74	4026.66	4813.86
PAX2	1.7604	2.20038	1.46549	1.63554	2.0077
URM1	68.2515	72.5653	80.1214	70.8047	68.3968
MESDC1	16.7098	13.6868	20.8066	17.9221	14.2118
FBXL15	11.5655	10.8057	13.8686	11.8636	11.2665
PARPBP	1.6318	1.36727	1.91978	1.68303	1.42987
ABHD5	2.86709	2.12911	3.09452	2.83236	2.55704
CBWD6	3.94509	3.20213	3.48151	3.90819	3.27247
SLC35E3	5.08524	5.82719	5.58493	5.11157	5.76936
DMWD	10.2702	9.6681	10.9552	10.6847	9.46944
DDX54	35.9515	32.8739	32.1217	34.5127	32.3556
SAMD9	0.203633	0.227841	0.15154	0.14412	0.313585
PPFIA3	4.23827	4.4338	4.61161	4.64731	4.27511
GPAM	1.09753	1.29704	1.3489	1.30713	1.2763
FHL2	393.035	389.546	376.621	357.883	413.34
CASD1	3.41356	3.9837	3.84232	3.47047	4.09095
RNF220	40.2731	41.9064	40.6465	39.1484	42.803
TRAPPC5	210.441	187.951	215.732	195.721	198.414
TMEM98	43.757	47.4568	48.3273	47.9769	47.4895
ZNF180	2.04707	3.13375	1.92447	2.06074	2.89782
DDX6	9.61637	12.7949	11.8376	10.5232	13.1008
SUGT1	27.3837	25.9334	29.3964	27.429	25.5512
MAD2L1BP	31.4373	35.1418	39.2154	33.2049	31.4712
SS18L1	3.37101	2.99837	2.65455	2.95616	3.29913
NKD2	16.5351	11.6797	15.3814	16.1939	12.9001
GPR137C	0.139828	0.154868	0.0484751	0.080843	0.195132
CD164	35.9573	39.7075	42.6651	36.8074	39.6124
ZNF480	1.90946	1.71642	1.28223	1.83173	1.74702
TEAD1	4.89346	4.37136	4.53646	4.49268	4.70103
NKTR	1.82709	1.87624	1.23442	1.78396	1.97691
PLSCR1	5.26895	5.30231	6.42943	6.36535	4.74662
RNF25	24.0543	29.2991	27.0349	26.3765	27.0037
NDUFA11	462.684	451.891	498.981	468.172	429.327
NRG4	0.533428	0.583626	0.463239	0.556561	0.735182
ZFP69	1.74535	1.24306	2.1552	1.77227	1.75201
LSM14A	26.464	27.3079	26.2389	25.7601	28.447
TGFB3	2.01883	2.11756	1.3747	1.68779	2.2845
ARHGAP17	8.82947	10.4077	9.95998	9.54474	10.2531
APEH	96.907	101.217	99.4392	95.9988	102.801
C7orf26	16.5264	19.6017	20.3099	17.6477	17.248
JRKL	1.56619	1.26609	2.16915	1.78784	1.43747
FAM49B	21.0775	21.1411	22.99	20.7937	21.7072
AGAP5	0.92845	0.615528	0.737148	0.889119	0.626383
TOP2A	11.2581	11.0479	11.0177	11.8871	11.0813
SNN	6.09156	9.52584	7.22432	7.06106	8.88426
BRD4	9.65598	8.7206	8.99965	9.87402	9.13889
PIGV	4.18206	5.28641	5.77928	4.86161	5.38697

SESN3	0.179715	0.131601	0.134776	0.209278	0.114025
UBR5	6.64579	5.81908	6.43638	6.4164	6.48962
DGKQ	5.89677	6.50572	5.63287	5.99623	6.8694
OSGIN2	9.90603	8.96059	9.87159	9.29993	9.55945
WASH1	6.0996	6.21356	6.01022	6.37836	5.58972
GATC	7.28763	7.38245	9.26593	7.92214	6.86248
UBE2W	4.60763	3.99665	5.32096	4.27752	4.61986
ZNF442	0.618776	0.465037	0.370928	0.532262	0.521104
CBL	3.35037	2.9538	3.56435	3.3892	3.1258
DENND5A	9.6692	9.82266	8.75003	9.00953	10.2163
CEP250	12.4939	11.4167	7.90021	11.6696	11.4129
ZNF337	4.98447	4.28287	4.05148	5.06171	4.22193
RNF19A	7.39896	6.71129	7.63749	6.82208	7.88822
ATG14	3.5726	3.05564	3.01878	3.06332	3.30274
PTGR2	2.46386	2.3405	2.62304	2.4366	2.7818
STAG3	0.144092	0.178682	0.192609	0.216172	0.130142
ACBD3	8.65939	8.04912	7.84093	7.44217	8.48996
TEAD2	8.54431	10.8489	8.98252	9.73092	9.58605
SETDB1	4.96134	4.20264	4.53217	4.83371	4.14275
HDGF	165.856	177.047	168.409	163.499	174.605
TMEM55B	27.8046	27.3177	30.534	30.0111	25.2811
WNT3	1.08141	1.08971	1.35654	1.32233	1.11335
MTMR12	3.48294	4.01843	3.78458	3.51752	4.02855
DKFZP58611420	0.823332	1.05046	1.05913	0.904455	1.03491
HTRA2	17.7715	16.5384	20.3307	17.772	17.8803
IWS1	12.6574	11.8456	11.0555	11.9859	12.482
GSTO2	37.287	38.5005	39.622	37.1414	38.4055
SPG7	25.1922	24.962	17.6701	22.5366	25.0491
ATP6V1B2	31.0759	30.7593	33.6269	29.3506	32.6041
ZNF296	23.02	19.3401	26.1234	24.3914	19.1005
ZNF182	1.42606	1.20741	1.31223	1.55315	1.11531
UBAC1	38.5481	41.9502	38.9283	40.4697	38.6312
CTCF	11.6179	11.7633	11.3132	11.829	12.1417
ZBTB49	1.29746	1.90188	1.60949	1.43413	1.80019
CREB3L4	5.64154	5.86317	5.75695	5.59547	5.76027
CDC25B	21.6476	20.8004	23.2504	24.4609	20.0258
RUNDC1	7.20412	6.02056	4.83757	5.90711	6.60311
IDH1	11.5802	12.2222	14.5745	13.5396	12.558
MRPS28	40.5762	39.1586	42.347	42.5895	39.5736
IL21R-AS1	0.0520817	0	0.139776	0.103679	0.0517717
PLK1	73.7909	54.7006	74.6413	75.701	52.8512
LOC728554	27.5543	28.5079	26.699	27.4644	28.4332
IMMT	41.3511	37.3795	40.974	41.3112	40.1098
KIF23	9.65029	9.07837	12.3659	11.5574	8.6648
DNASE2	37.3281	39.3146	42.973	41.3594	36.0786
RBM27	3.02893	2.826	2.80654	2.87808	3.05153
SCRIB	39.1106	34.7318	35.822	38.4731	36.0028
GLT25D1	55.8574	50.3383	56.5395	56.1443	53.5585
ERMAP	1.79826	2.11493	1.94119	1.83765	2.14812
UQCRCF51	122.326	133.193	121.523	125.845	120.664
FAM50A	75.2197	94.0883	84.1979	80.1979	84.1123
UBQLN1	32.311	31.7241	35.3453	34.0329	30.9284
NDUFAF5	5.57761	5.92391	5.27158	5.02251	6.05425
SOX8	17.2941	18.9839	17.4322	17.7913	17.3116
CCDC159	2.63203	2.88811	3.45337	3.29282	2.28431
STRBP	9.06876	8.3999	9.94866	9.16071	9.00989
SPATA9	0	0.0271449	0.094164	0.0622452	0.025687
BIN1	36.4607	29.2861	35.6419	33.6337	30.3524
SOGA2	4.39546	3.65727	3.63411	3.82339	3.79236
SPOCK2	0.0414924	0.0164532	0.0295728	0.0404846	0.0151272
ASPH	51.1551	47.0259	46.2304	46.0191	53.778
PRSS27	0.563136	1.34582	1.89753	1.11211	1.09973
LOC284454.MIR24-2	8.80367	15.8304	7.90419	10.5186	12.6655
COPS6	155.155	174.538	154.83	154.306	168.53
PARP2	14.4133	11.7409	13.9577	15.3144	11.7204
PPHLN1	20.4456	21.4345	18.8663	18.9334	23.2322
DSTYK	1.79591	1.98078	1.73482	1.7337	1.97775
KRTCAP2	338.159	374.426	342.788	332.693	363.428
C17orf89	74.3459	83.4722	85.4274	87.0148	73.9504
ANO7	2.68094	2.87156	2.38058	2.63075	2.51108
SAPCD2	59.0252	49.1836	57.2884	60.628	43.5206
CYC1	227.679	234.318	223.114	215.701	225.039
ALG3	73.2929	58.4163	65.1353	66.3166	65.2231
SFT2D2	3.07322	3.6826	3.05372	2.92707	2.94467
TPT1	3575.77	5948.48	3785.07	3645.7	5125.51
FECH	1.61465	2.14127	1.84253	1.81052	2.00033
XPNPEP1	33.3734	29.5295	31.4336	30.9827	31.6155
MRPL47	33.4082	37.6598	34.3657	33.6547	35.2952
FAM213B	17.9539	22.4152	19.0228	19.1427	22.3698

NME1,NME1-NME2,NME2	1584.82	1968.84	1657.11	1568.78	1792.9
EFCAB14	6.00867	6.86529	6.12647	5.97375	6.95508
ZDHC13	7.28282	6.12759	7.90797	7.73071	6.3573
SNAPIN	39.6096	39.0196	35.2994	32.947	44.7104
C6orf1	46.7724	43.4766	43.1185	46.6381	39.095
PGD	108.073	116.441	113.996	106.911	119.162
BOK	50.655	53.4292	64.0613	52.744	53.6045
MMGT1	5.25577	7.6484	6.23513	6.19926	7.33805
PPP1R21	3.59183	3.85439	3.77741	3.52902	4.19458
MSH4	0.673727	0.537986	0.612836	0.677354	0.676906
PPAP2C	80.1041	72.7282	87.1256	82.1588	68.5837
CRADD	8.1792	9.88813	9.23739	7.2474	10.2723
IQSEC1	6.88033	7.08362	5.77378	6.85116	6.27474
KCTD6	6.38865	5.66925	6.64948	6.96847	6.20445
RFK	9.21009	10.3845	10.4707	8.74	11.368
UBE2K	13.9751	13.1772	14.8962	13.3753	13.9103
TLE4	0.46958	0.634497	0.561722	0.588317	0.564141
IFRD2	77.184	73.6784	89.5362	83.1529	73.4321
UGT8	2.8108	3.17919	3.09637	2.65027	3.76868
TAF1	2.52756	2.00582	2.14121	2.44798	1.92774
SERP1	40.123	44.544	46.5353	39.7859	44.7567
DNAJC14	9.98267	10.4973	10.0611	10.3856	9.74094
RELL2	6.32207	5.7311	7.71504	7.26153	6.0977
TSSK4	0.115518	0.0943704	0.0851672	0.113392	0.0595205
PTOV1-AS1	1.71108	2.26252	2.73694	2.2495	2.50624
LGALS3	44.4661	65.1927	48.2005	46.3084	61.0956
BET1	10.0738	8.3002	11.1087	9.63119	9.63332
CHMP4C	39.4521	37.7614	59.5673	44.7487	41.397
SF3B1	33.4877	33.1603	32.7946	33.2535	34.1013
LGR4	1.2549	1.26706	1.05491	1.1667	1.31515
RBFA	4.96586	6.0916	5.03638	4.97819	6.23275
SLC25A35	1.7343	2.05355	1.64652	2.17801	1.94557
KRI1	22.6204	19.6045	20.9706	22.5803	19.1583
RNF166	15.6037	18.9525	15.4564	15.7523	17.4516
KPNA6	8.38762	8.88717	7.59558	8.27223	8.86145
TET3	1.35313	0.98652	1.19593	1.37807	1.0327
ZNF175	1.93691	1.60901	1.3917	1.73088	1.55619
RARA	10.3266	10.0824	9.28934	10.2249	10.7696
C19orf54	9.04309	7.98183	9.64926	10.2739	7.55384
MROH6	7.84337	3.87254	4.56849	7.9866	4.67774
NR2C2AP	40.2148	44.8621	45.5114	43.0561	44.7913
ZBTB42	3.81157	5.27758	4.65359	4.43258	4.74087
SLBP	43.1789	49.705	46.0846	44.847	49.806
RNF2	9.00022	9.12028	9.50061	7.90417	10.6125
SH3PXD2A	1.42946	1.21197	1.22479	1.41142	1.28912
FAM149A	0.835165	1.36896	1.26998	1.06567	1.23156
TOP2B	14.1627	12.6659	14.4902	14.0696	13.6381
BRE	34.9424	36.0468	31.2153	31.1109	39.5302
SLC36A4	3.10669	4.23163	3.25877	3.07653	4.39162
POLR3H	19.1075	18.6388	22.1665	20.3008	17.9356
C17orf53	5.74754	4.06068	4.96226	5.61845	3.93444
ZC3H12A	2.84588	4.7412	2.37042	2.5478	4.53055
SHANK3	6.95648	6.65711	6.14463	6.65934	7.10221
KIAA0907	8.67726	6.7055	9.56945	9.30387	6.74634
GRIK1-AS2	0	0.067814	0.175809	0.116653	0.127947
PNKP	42.6406	38.0337	33.6578	44.5758	32.4876
C9orf16	398.055	412.683	333.491	347.182	436.851
WDR89	3.55219	2.69016	3.29377	2.99028	2.96368
EIF2AK4	8.5353	8.55458	7.54863	8.15538	8.9744
GRIN3A	0.0472006	0.0583076	0.0236504	0.0210423	0.0750469
NUP35	5.55378	5.44221	7.80208	6.29792	4.80607
STAT5A	9.07353	9.44051	7.94361	8.51314	9.02232
NOP56	64.2386	79.8364	72.2454	69.1377	79.0794
RPL38	4094.38	5741.45	4042.54	4063.07	4937.99
NFU1	34.2975	36.5626	37.5063	34.6649	37.0411
KIAA1609	6.09893	5.35551	5.53119	5.45341	6.02129
CCDC109B	37.0648	37.8332	33.147	31.8615	43.6988
ENTPD5	0.454316	0.378398	0.37422	0.483076	0.419223
MTF1	0.903345	1.0503	1.18461	1.01361	1.02788
GFOD2	16.9067	12.455	17.6265	16.5531	13.6825
LRRC14	9.15584	11.7265	9.57818	11.3323	10.8222
KIF27	0.475073	0.266259	0.363566	0.347091	0.343081
CHTOP	56.3256	59.783	54.0717	53.5733	61.117
ALDH18A1	40.3819	44.157	39.0374	38.3099	47.548
GPN3	22.871	22.7725	21.4734	20.7866	25.2199
FAM96A	49.3279	47.9685	54.4304	49.2687	50.1268
BMP2K	2.09567	2.1214	2.26821	2.03176	2.24297
C18orf21	20.2487	19.9466	20.361	19.7652	18.5441
BTBD1	21.3194	25.0629	21.0834	20.7478	25.476

RPL28	1820.92	2476.5	1738.79	1783.36	2280.12
GLTP	35.0997	40.9172	35.8846	32.9727	41.6011
WVOX	5.81034	5.33971	6.17167	6.38109	5.61763
ARHGEF11	3.05205	3.13186	2.67805	3.10271	2.93174
CCP110	1.7826	1.95493	1.76609	1.94709	1.89448
ZNF646	2.46917	2.41138	2.55118	2.61535	2.24396
NR2F6	108.589	103.43	118.053	112.812	99.8815
GALNT2	10.0629	9.58437	8.29624	9.30703	10.0776
NT5DC2	91.2887	98.6151	98.6745	94.7743	96.9815
MAST3	3.9993	3.85328	2.92864	3.88133	3.77658
MTHFSD	4.92161	5.13518	5.44392	5.62052	4.79237
WBP11	27.114	30.6061	23.1347	26.9506	30.2193
ZNF652	1.07897	0.977093	0.809982	0.897309	1.04463
PEX26	6.55444	7.29263	7.79537	7.00545	7.29522
MAPK14	9.11462	10.9702	8.73229	8.93806	11.4246
RPS15	4523.3	5795.41	4507.91	4417.28	5223.07
PON2	35.0198	32.9977	34.9112	34.6203	34.4062
TNFRSF10B	32.0206	35.1988	38.4376	35.6175	33.9275
MRPL51	196.194	202.809	217.611	208.322	181.428
HERC2	2.95234	2.9343	2.49779	2.99075	2.81169
MRPL19	7.41861	7.89594	7.127	6.72934	8.21228
PRIM2	8.68236	7.92139	9.70533	9.71716	8.63401
RPL14	2758.73	3536.44	2875.85	2723.77	3215.8
EMC6	132.891	148.38	151.949	135.023	139.094
KREMEN2	23.2931	18.6987	19.4668	22.3242	20.3545
KLF3	3.2921	3.28432	3.13743	3.16709	3.38404
ANKRD13B	12.4259	7.84584	9.64369	11.9779	8.61103
GPHN	6.61029	4.88033	5.99477	6.0213	5.70585
CAMKMT	3.77479	2.63294	2.6909	2.76874	3.41007
NUDT13	0.992727	0.851698	1.05629	1.2302	0.796702
PHAX	5.58519	6.68046	5.31649	5.35485	6.91094
USP14	10.5542	9.21796	12.8437	10.8623	9.8485
CDC27	7.07991	6.30692	7.81297	7.05039	6.72064
LUST	0.302404	0.105655	0.113415	0.326785	0.099915
LOC100129034	19.2914	16.8554	18.4962	17.8492	17.9635
ASF1B	30.3145	39.0543	34.1282	36.9159	35.9757
MEF2A	4.32893	3.42861	4.44334	4.1212	3.51083
PARP3	11.2871	12.7569	12.2272	11.777	13.2165
ZNF585B	0.950397	0.869023	0.978155	1.07003	0.825666
NSDHL	23.1815	24.9322	23.1429	23.2413	24.4101
PKMYT1	58.6424	46.3809	64.9015	69.1578	44.9004
FAM58A	32.1295	39.8076	38.3824	36.4723	37.2069
PAX9	1.7171	1.49261	1.92061	1.88968	1.45831
CTBP2	14.0353	11.9463	16.475	14.44	12.3047
LMNB1	11.9017	10.7365	10.568	12.6809	11.3728
LOC100133315	0.542415	0.475398	0.276092	0.520017	0.298361
MTR	2.03595	2.00048	1.51869	1.83881	2.10711
PFDN4	25.7251	25.3965	30.6645	24.2702	24.5958
E4F1	16.5396	17.5531	18.4956	18.4522	16.9924
HCCS	9.66283	11.1955	12.0705	10.977	10.7399
RBM18	6.3902	6.91082	7.83971	6.20536	7.34997
VAMP8	1.32095	0.964113	1.16236	0.757286	1.83672
MPP6	3.77134	2.64412	3.41699	3.39879	3.14308
MDM4	3.81161	3.96239	4.13532	3.74369	4.27939
LOC646278	0.3421	0.419188	0.383424	0.457297	0.240605
TWF2	111.307	119.702	101.79	103.348	119.597
CD55	18.3925	16.5696	20.1493	18.4231	16.4705
EV15	1.67405	1.44292	1.68362	1.45919	1.53958
CACNB1	5.05828	4.86499	4.69452	4.76802	5.39171
STAU1	30.6876	29.1123	33.2755	30.1446	32.1677
CWC22	4.47462	3.95442	3.80877	3.98039	4.5399
NKIRAS1	4.36123	3.90058	4.43952	4.10223	3.96065
TMEM57	4.6451	4.70034	5.43367	5.20902	4.73481
UBA5	11.4392	10.5372	9.92135	11.1354	11.3387
RPL36AL	606.856	615.698	538.62	594.535	588.962
RPL31	4018.07	5915.29	4335.01	4090.4	5196.65
PURB	3.48497	4.12851	3.93307	3.51893	4.12048
ACVR1	4.35071	4.95601	4.30586	4.43511	5.36695
LOC100506990	3.46326	4.6907	4.14249	3.8306	4.23068
ZNF354A	5.8078	5.80484	6.96481	5.75414	6.31175
OAZ1	835.601	822.412	946.089	855.09	781.907
RTKN	19.9884	16.914	21.5739	20.9172	17.5758
PEX19	14.3118	16.6767	13.9196	13.3643	17.8494
BMI1,COMMD3,COMMD3-BMI1	67.2607	81.7293	79.4644	64.2135	84.1833
MPG	183.256	200.778	186.705	171.274	196.589
RPL37	857.722	1247.46	973.503	831.059	1193.27
SLC25A44	4.73361	6.11105	6.52047	5.45775	5.71001
SETD4	8.60125	9.53624	7.98477	8.30664	8.91851
TRAPPC10	2.55748	2.4949	2.90567	3.02989	2.48669

RPL7A	9818.47	13652.7	9834.84	9845.33	12257.9
C8orf76,ZHX1,ZHX1-C8ORF76	34.9839	26.5381	40.9772	33.8508	27.9463
PIK3C2A	3.11998	2.85694	2.4864	2.61139	3.03037
AMFR	28.7186	34.5746	29.5464	27.5325	35.9153
SERPINF1	0.223049	0.240595	0.269321	0.147724	0.277638
SMC3	10.8161	9.63265	9.76237	11.2844	10.7396
USF2	100.536	84.1609	104.752	100.184	89.3097
RBM22	20.3115	21.5545	21.8109	20.407	22.0729
PRPF38A	13.8897	12.463	15.0901	14.4027	11.5975
CHD1	3.48699	2.76566	3.1703	3.1588	3.35955
PKI55	0.884885	1.31094	1.31728	0.887844	1.56541
KIF14	1.90152	1.11657	1.35318	1.84097	1.16912
TSPAN4	58.2059	51.0315	49.4521	53.8323	55.6173
CASP9	4.31574	4.20593	4.10001	4.32477	4.49611
FAM73A	1.23083	0.986309	1.0576	1.13197	0.992167
RALA	11.665	13.101	13.7661	11.7962	13.7357
WDR52	0.171659	0.319789	0.198467	0.239159	0.268368
HOXA5	8.21935	9.9038	8.05132	8.19128	10.0944
GATA4	8.83962	7.81028	6.75854	8.43425	7.28556
CITED2	7.91012	7.77457	6.07005	6.54235	8.69094
MAP2K5	13.174	11.8314	13.816	12.2598	12.6898
FAXC	0.477901	0.456732	0.552231	0.592402	0.42702
RNF139	14.3929	19.2028	16.0857	13.6531	21.0996
VANGL1	1.4102	1.67381	1.62109	1.4966	1.61978
METRN	145.118	135.824	146.61	146.875	132.488
NRBP2	12.3475	15.2262	9.46168	12.2412	16.4458
PRPF39	7.40209	6.2269	6.29105	6.57123	6.68824
C1QTNF9B	0.352748	0.512063	0.214751	0.502685	0.31927
TMEM14C	139.295	177.561	157.078	139.408	179.736
PAK2	11.9439	11.7255	11.3775	11.3541	11.8285
NUDT8	40.7655	57.165	34.6533	44.3226	52.3703
MATN1	0.0368718	0.132484	0.0364409	0	0.10325
RPL22	307.092	395.045	331.038	321.262	350.051
ERCC3	22.2967	23.5552	21.3822	22.8629	23.5695
DHX40	5.99673	6.36345	6.21367	5.97476	6.63436
HOXB7	16.9288	21.7342	23.4005	19.7256	19.5435
MED9	8.74764	9.8879	8.98314	9.01545	9.61241
PHF23	16.4365	16.7382	19.168	17.7583	16.1313
RASA4	4.90985	5.51189	4.51767	4.47109	5.79677
RHBDL3	0.876323	0.910438	1.12269	1.14876	0.805466
YES1	10.3152	7.94733	10.0246	9.67348	9.30149
CDK5RAP2	5.33605	4.71987	4.45949	5.28677	5.00238
C11orf73	26.3436	29.0752	29.8002	25.7668	30.1473
SND1	85.2731	90.4525	94.7174	85.9189	89.5065
SUPT5H	33.3153	33.8997	31.709	31.7382	33.5351
ATP1A3	8.27934	10.2396	8.57434	9.0506	9.84573
CEP170B	12.4607	12.3563	11.2946	12.7676	12.2279
UBASH3B	1.70187	1.41885	1.97938	1.71806	1.74768
RPL13A	8126.74	12395.7	9094.05	8449.13	11032.1
TUBA8	5.44205	6.28599	5.37841	5.73285	5.86679
TXNRD1	24.245	19.9504	27.3869	24.1125	22.7604
SPTLC1	24.895	25.2241	26.3525	23.5853	26.9685
VPRBP	2.14949	2.50275	2.63765	2.42933	2.668
PFDN5	417.15	608.649	427.758	418.006	543.856
ZNF76	8.46022	8.52	10.6875	9.60125	8.35567
ISL1	0.0827427	0.222027	0.180672	0.137899	0.222944
C9orf3	2.33966	1.80294	2.28868	2.58558	1.72872
MKS1	9.21217	10.0296	9.18819	9.06675	10.3721
KIAA0922	2.52721	2.1729	2.50243	2.86571	2.15319
PARP4	14.2255	12.574	15.377	13.8801	13.5347
PARVG	0.0640959	0.172838	0.109515	0.106762	0.157867
PIGM	1.71649	2.11206	2.6622	2.21359	2.1915
PTRH2	40.5829	43.9658	45.2728	39.4162	43.5573
NFYB	5.13579	5.09412	5.76925	5.54063	4.94127
FDP5	70.072	75.8763	59.7731	70.0215	76.1887
ULK3	26.0355	28.0296	22.0586	25.6445	27.8426
ARAP3	7.48423	6.75374	6.30449	7.72779	6.60149
HOOK2	10.5499	9.0491	10.3389	11.0266	9.43514
ACTL10	1.49139	2.57842	2.94146	1.98017	2.38649
RNF113A	36.7321	30.4999	35.1005	34.4153	30.0217
LOC541471	371.09	457.889	357.969	366.195	393.837
SZT2	1.48054	1.71371	1.23601	1.69931	1.54978
HPCAL1	46.6861	47.6637	45.2251	43.1278	46.5698
NOL12	7.19574	6.42389	6.51907	7.81814	5.58194
MLST8	71.1272	70.8576	79.9303	72.7293	70.2948
SNAPC1	6.92879	5.6539	6.02138	6.60566	5.77176
ICOSLG	2.4904	2.80375	2.76994	2.46003	2.99463
FRMD6	21.3584	17.8466	17.4901	19.3045	16.9696
NAA50	16.0797	16.6882	17.402	15.7211	18.5356

CLTC	24.3641	21.4059	23.6835	23.505	23.0492
MPND	22.2882	25.4682	22.841	23.6762	22.3239
VRK3	12.5905	12.7978	10.9112	12.8227	11.6932
ATG4B	22.6955	23.5965	24.7178	23.9032	24.2198
NOL10	7.195	5.61652	6.52997	6.50194	6.57425
UTP23	6.69257	7.22428	7.83263	6.56093	8.32694
JMY	1.74494	1.28797	1.89729	1.82957	1.50222
ZDHHC9	13.8967	14.908	14.2255	13.3988	15.7136
LEP	0.0136992	0.0288796	0.0169886	0.011405	0
TMEM147	191.942	214.715	191.774	185.238	216.458
KPNA1	5.27181	5.77366	5.92366	5.3256	5.78767
TNFRSF10A	5.62452	6.05742	5.58768	5.66952	5.94905
SP2	4.65851	4.44775	4.1579	4.0838	4.99325
COX5A	346.73	335.214	335.245	336.641	343.564
ARIH2	15.2256	16.0969	17.9013	16.3117	16.7054
ARF6	15.8699	19.9785	19.2968	16.5556	20.8232
TTL5	3.03469	2.6448	2.27659	2.70246	2.972
EEF1G	3346.15	5607.48	3584.12	3499.46	4958.87
CD63	561.62	615.863	626.869	579.646	591.685
CHMP3,RNF103,RNF103-CHMP3	20.2299	23.5946	22.9654	21.0032	22.9493
RPS26	1973.66	2638.77	1950.01	1993.08	2275.88
C10orf68,CCDC7	0.545679	0.462009	0.803395	0.599811	0.626924
TEX10	32.5621	29.0335	39.8879	33.5231	30.9356
ALPK1	1.60908	1.58694	1.76535	1.9339	1.48982
ZNF232	9.87562	8.30271	12.1058	9.98608	8.35234
MAU2	7.1165	6.84912	7.10338	7.20065	7.42808
RNU12	4.81996	0	0	2.6303	2.22588
RAB33B	1.09747	1.52617	1.24483	1.09799	1.44492
FAS	3.64313	4.7758	3.59463	3.46957	5.43702
C1orf85	30.0901	38.0528	27.266	31.3987	33.7685
SGOL2	3.23388	2.61021	1.94307	3.26774	2.41089
C4orf29	1.13063	0.742042	0.654312	0.810473	1.09417
SEPT7L	0.129314	0.0901269	0	0.107253	0
URB2	1.95686	2.70514	2.64376	2.06785	2.58955
HADHA	88.7106	96.4841	94.1041	91.3457	97.6429
THSD4	0.157313	0.120835	0.12085	0.109985	0.150318
EFHD2	53.3249	50.4907	50.1411	52.043	52.1549
TBC1D30	0.10362	0.129616	0.0545791	0.115412	0.118092
HIBADH	14.866	15.0664	12.2896	13.4539	15.1016
TMEM123	36.8974	48.1993	41.0729	36.9559	51.1415
LINC00654	0.00702348	0	0.0262657	0.0117343	0.00929846
PVR	15.8767	14.5245	17.987	17.2639	14.2786
PCM1	5.28298	5.09926	5.27949	5.44644	5.44519
PDIA3P	0.985766	1.09768	1.54323	1.27442	1.18258
KIAA1429	5.93584	6.3943	5.79945	6.10623	6.2476
OVOL2	2.93	3.20264	4.36387	3.59415	3.01238
ATP2A2	14.101	13.5407	15.1481	14.3253	14.6657
TRMT2A	17.5161	15.0557	16.6373	17.9568	15.0883
EFCAB12	0.145417	0.0969501	0.122081	0.143776	0.071475
ZNF281	1.18571	1.64041	2.16276	1.37944	1.64159
PSIP1	27.9691	29.3881	27.8937	30.2492	30.1163
AMPD3	4.23486	4.35688	2.52292	3.04829	5.18098
FHIT	14.651	17.9412	13.2874	13.9386	17.2926
DNA2	1.22675	0.901146	1.19411	1.48767	0.7764
BCL10	37.8378	19.8748	35.8329	35.127	24.1908
BAG5	4.82056	5.53808	5.74484	4.90817	5.92106
TMEM165	43.0593	39.0117	48.4196	42.2881	43.1073
FAM83F	29.568	28.9259	31.9057	29.459	30.6695
PPP1R15A	211.582	128.272	246.479	211.838	129.902
C10orf114	7.92888	6.79044	10.3326	9.17916	6.2163
POLE3	33.106	42.6476	39.8736	37.0783	42.5328
RAB22A	3.79478	3.7818	3.75676	3.6279	3.88453
XRCC1	20.1953	16.1642	19.1513	20.2522	15.6471
RETSAT	14.4535	21.372	13.8977	15.0202	20.4643
TEFM	8.84126	7.4259	9.00677	9.00624	7.2333
COL4A3BP	4.66017	5.07732	4.56936	4.38712	5.47887
HSD17B4	12.4065	11.2446	11.19	11.9882	12.5309
NUBP2	94.373	95.2569	102.907	97.0328	99.1705
GTF2H1	8.57903	7.52066	12.002	9.97076	7.92759
NDRG4	4.87206	5.63483	3.89015	4.74791	6.22157
MTMR2	7.11058	5.37656	6.42916	6.45177	6.10375
RPP14	3.92593	6.81015	5.64845	4.50506	7.23189
MTA2	35.2452	36.9015	36.0393	36.884	37.0137
CHID1	23.7982	24.5181	20.7651	20.4576	26.719
SLC6A12	0.0595167	0.151072	0.121399	0.0829889	0.164547
RPS6KA5	0.395254	0.255063	0.415524	0.396712	0.304424
HACE1	0.943898	1.14383	0.764783	1.07233	1.03203
DDHD2	3.62299	3.62526	3.30245	3.01852	4.11901
CA2	8.53192	8.47619	6.59456	8.14984	9.5359

SGMS1	2.27082	2.20466	2.7935	2.29812	2.30633
LOC100505783	0.832057	1.14723	1.35874	0.89045	1.07836
ENDOG	33.746	34.9682	38.935	33.6916	38.5095
SUPT4H1	29.7032	40.7713	35.5511	31.7655	38.8463
RAH14	6.18397	4.64541	6.13331	6.44206	5.09334
EPC2	2.40077	2.14935	3.01238	2.21776	2.40699
CHERP	20.0693	19.5371	19.6022	19.1842	19.301
NPIPL3	4.47451	3.93387	3.76589	4.50895	4.10124
SLC25A17	11.4275	11.3439	13.242	10.6658	12.9705
TRAPPC12	16.0594	15.532	19.1746	18.1866	14.8092
UBXN1	136.031	140.884	160.435	145.989	132.214
STK16	9.38628	13.2768	10.5395	9.94158	12.887
ZNF816,ZNF816-ZNF321P	2.89988	3.70745	3.23498	3.36754	3.3894
XPA	7.05553	7.36304	9.60826	8.55953	7.03365
APIP	14.3729	11.3523	15.6682	15.4285	11.9895
LINC00674	2.39847	2.38235	2.77718	2.44808	2.66072
PIP5K1C	9.35921	7.75675	8.55631	9.55222	7.66311
C3orf37	37.0439	38.5692	36.9311	38.7698	39.7813
UBR1	1.38653	1.20034	1.32535	1.46118	1.26241
ZC3H3	23.2925	16.2813	19.4227	21.272	16.8314
ST7	8.98905	8.82054	10.5978	9.77172	8.91201
PAPD4	6.249	6.39278	5.41782	5.81737	6.24619
ZNF583	0.780786	0.983147	0.850509	0.705094	0.840568
MZT2B	394.331	390.489	439.275	394.876	418.646
NANP	2.57413	2.73672	2.4368	2.34601	3.17013
GLYR1	11.4063	11.0241	12.2208	12.0614	11.2692
NDC80	10.4173	9.60626	12.7905	13.1712	8.618
C3orf17	8.59943	8.36693	10.3033	9.31745	8.31279
GADD45B	42.836	67.8253	54.0505	41.9657	63.9503
MRPS12	109.734	115.786	120.852	107.064	111.355
CHMP5	32.3696	30.5487	37.0287	31.5228	32.9611
PRRC2C	5.12462	4.19535	4.79919	4.96332	4.55851
DHX35	3.40581	3.98639	3.38193	3.49728	4.02725
C9orf142	143.028	160.101	146.25	152.18	142.018
TBL1XR1	16.6841	16.66	17.2158	15.989	17.6656
COIL	5.2313	5.66341	4.92052	5.20089	5.66611
DAPK1	2.81898	2.2081	2.82236	2.74673	2.5336
ZNF74	8.44794	7.47481	8.01884	8.23792	7.1473
RNF217	0.591804	0.534852	0.373922	0.49337	0.537051
ZNF706	38.5645	39.5225	39.4485	38.475	39.4799
CLEC4A	0.822193	0.709591	0.61836	0.677801	0.698691
NCEH1	2.2097	1.75825	2.03507	2.10095	1.91459
SSH1	6.34983	6.75592	5.45891	6.52376	6.17967
SSFA2	6.57656	6.60392	6.15531	5.80789	7.43758
ECE1	14.2101	13.6481	13.8836	14.5403	13.797
DEAF1	37.5316	47.1999	31.7224	35.6619	45.4242
LONP1	103.699	89.9944	109.347	110.179	84.0763
SEP15	48.6453	52.407	55.3211	48.4122	55.5625
BRI3	338.425	358.723	316.626	342.501	313.753
AFTPH	5.99419	5.85111	6.34427	5.85649	5.95467
GPIHBP1	0.105475	0.120594	0.0545851	0.201768	0.0549222
SLC4A7	2.04496	1.17448	1.58915	1.79678	1.47535
TAPT1	1.9355	2.17897	2.24462	2.09287	2.21675
NDUFAF3	72.99	64.6919	71.4302	72.3228	66.474
CHORDC1	9.24078	8.6087	9.85293	9.35996	9.17318
MXD1	6.01246	5.54025	7.43391	6.45612	5.53111
CCDC47	19.4898	20.2178	19.7977	18.1985	22.8933
PRKRIR	9.22801	11.1912	12.4819	10.0497	11.1367
XRCC6	197.376	212.401	183.881	199.298	209.983
IQGAP3	10.0356	9.02292	10.2263	12.0569	8.08763
MRPS24,URGCP,URGCP-MRPS:	298.535	305.214	304.284	292.74	298.156
NAA35	9.46778	7.2277	10.4965	9.15281	7.80293
DEPDC1	6.32268	4.11549	6.86901	6.76485	4.09093
DSE	2.8006	3.0492	2.82909	2.66005	3.33668
PSMD7	49.5232	53.5024	39.6438	48.0714	50.0526
H3F3A	397.717	424.638	382.178	395.58	425.3
MYO9B	13.873	14.099	11.4714	13.4325	14.1692
ZC3H15	28.9377	25.1857	32.635	30.3065	26.1568
MAVS	3.85377	3.39736	4.15314	3.97953	3.27757
BTF3	801.484	940.188	825.395	821.112	899.613
SLC4A2	70.1167	60.307	66.3331	68.036	61.3517
GLUL	19.2583	22.477	22.8157	21.0075	22.298
CLSPN	0.989339	1.13574	0.711464	1.11503	1.06387
USH2A	0.00332321	0.00159585	0.00278338	0.00184757	0
C14orf2	349.623	340.457	379.711	348.52	331.072
ADAM10	2.76187	2.23489	2.67893	2.16729	3.10895
FAM20B	8.04799	8.10051	7.37359	7.44839	8.40982
SLC16A11	0.122167	0.267986	0.241254	0.0686515	0.14678
PRPF4	16.8316	16.3042	16.9284	17.0683	17.0552

RPL21	3263.02	4693.7	3661.26	3385.33	4167.16
TAF1C	16.1012	16.3459	13.1767	17.1776	14.6153
MDK	669.015	624.877	616.386	662.616	618.264
RBBP4	6.38288	7.70269	8.52323	7.1726	8.26984
AOC2	2.0312	1.79328	2.55405	2.48973	2.01842
TUBA1C	456.839	417.392	511.303	481.213	392.763
PITHD1	27.2042	34.3878	30.2406	29.6072	33.9564
WDR48	4.92792	5.839	5.33572	5.09702	5.94448
TYSND1	15.0139	15.722	16.4667	15.6762	16.3511
C19orf52	16.8921	18.6705	17.29	17.0188	17.4827
SLC35D2	21.7449	25.655	27.3785	25.2843	23.8984
EML2	17.5897	15.82	14.6778	16.0446	16.5432
SRP9	118.982	114.256	124.1	115.105	123.42
XG	0.00751202	0	0.01914	0	0
ASH1L	0.99943	0.977316	1.1333	1.11299	0.949348
RPS24	3047.61	3998.75	3281.41	3101.8	3699.74
SCARNA2	4.51515	2.93287	2.42572	3.95016	3.13279
ZNF554	1.02184	1.4616	1.32451	1.13638	1.49993
DNAJC13	2.6208	2.09972	2.64914	2.42513	2.66385
PLCH1	0.491408	0.407305	0.331278	0.376492	0.433921
PCDH1	5.16892	5.45279	4.57953	5.4032	4.82096
PDDC1	15.8657	14.8614	17.4909	16.2671	14.4524
ZNF215	1.75898	1.64649	1.69389	1.6595	1.70294
PHYH	34.7589	41.7975	31.1144	33.1781	41.3671
TCTN3	19.5223	24.7525	20.6503	20.8842	24.2295
THRAP3	27.6058	23.6534	25.708	26.1837	26.1342
CMTM6	11.9087	14.2459	12.9374	12.1971	14.7893
BRAP	5.03401	5.43469	4.93516	5.21874	5.49895
C18orf32,RPL17,RPL17-C18orf32	3417.6	4675.56	3793.59	3503.82	4333.22
CDAN1	5.55082	5.0892	5.22836	5.87534	5.28246
VASH2	0.492707	0.485486	0.493258	0.495474	0.625471
ANKRD27	7.49995	5.37732	8.00956	7.08337	5.62455
BTN2A3P	0.204846	0.311528	0.168211	0.177371	0.343714
CBWD3	0.388522	0.273469	0.371786	0.449625	0.25976
PRRG4	1.856	2.6843	2.31047	2.07366	2.80835
BMS1P1	0.0701015	0.0952237	0.1079	0.0917073	0.104137
DCTN6	19.1286	15.9989	17.349	17.0119	17.2903
PARN	9.35153	9.3589	10.3879	10.1713	9.58118
WNT2B	1.00667	0.869172	0.937731	1.03813	0.882507
RPL9	3921.13	6133.32	4612.97	3987.02	5626.83
ADK	17.661	16.8065	17.4341	17.0488	18.1983
CDK9	40.5645	58.5356	42.6817	42.9566	55.1113
ERC1	2.63235	2.44895	2.35965	2.70885	2.39597
UBXN4	17.4134	15.9553	15.0779	15.309	18.0628
COA5	7.91131	9.65948	10.5181	9.3189	8.62977
PTPN2	20.4831	17.3013	21.4842	20.3601	18.6698
LANCL2	1.71106	3.11864	2.39735	2.30981	2.94013
PIH1D1	95.4914	95.9904	91.668	91.8936	94.739
TPM3	64.7107	72.8159	62.612	68.6089	71.1949
POU2F1	1.06537	0.725574	1.02704	1.0537	0.808175
UBE2MP1	3.28806	3.26127	3.08034	2.83782	3.14731
ZNF546	0.239913	0.397061	0.226061	0.334557	0.307793
DNAJB13	0.0694332	0.0969988	0.103238	0.139133	0.109056
TBC1D19	1.93327	1.66846	1.90236	1.89882	2.16627
TNFAIP2	7.01639	7.70643	6.65628	7.44094	7.68505
TMEM38B	11.2663	11.5212	11.8752	10.817	12.1199
LOC100505718	4.07196	3.91867	4.3371	3.99311	3.66692
AURKAIP1	251.571	244.906	224.906	262.01	224.295
PSMA6	127.366	149.207	145.206	126.346	149.456
AMOTL2	17.0163	24.2572	15.5132	15.6137	24.6682
TIAL1	18.6075	15.074	18.1087	18.0619	15.9772
HAVCR2	0.0593361	0.0280816	0.0369389	0.0164557	0.0392141
ALKBH3	17.1743	19.1032	20.59	17.3646	18.6633
U2SURP	9.63146	7.56715	8.58013	9.33352	8.20992
SRC	20.6683	19.3823	18.3557	19.7952	18.6609
FAM103A1	14.9228	17.6677	19.1523	14.8296	18.7234
RPUSD1	69.1632	70.7754	85.5512	75.4432	69.0338
NEAT1	99.5882	77.9843	55.8058	104.892	77.6997
COX18	3.97659	4.62963	3.94038	3.87496	4.83256
PDCD2L	27.202	23.4347	28.726	27.358	24.0482
FADD	26.5925	29.1206	34.7412	29.6222	29.6026
QARS	77.2001	109.888	85.6689	85.9036	97.9325
RAVER2	4.93131	4.81052	5.41802	4.66268	5.50907
SHARPIN	82.9685	94.7361	92.3317	94.0957	79.898
EIF4G2	87.135	102.099	98.9879	92.1782	103.148
TUBB2A	12.7456	14.7511	10.9294	12.0003	13.4232
ZC3HC1	19.954	17.7719	20.6301	18.9702	19.2895
GLDC	0.00664076	0.0276863	0.00818812	0.0110638	0.0085664
ABR	20.2244	20.1693	18.9946	21.7155	18.7782

KLF16	47.2818	45.6882	56.8313	51.1009	45.7314
TPM4	274.025	207.42	277.981	260.451	223.792
ATP11B	3.96905	3.60384	3.73922	3.69049	4.09746
CCDC43	8.9151	7.59275	7.65722	9.16357	8.15803
CNOT7	26.091	28.3669	27.051	25.2379	29.7136
REEP4	46.6205	47.909	55.7568	58.5524	38.683
ZFAND6	29.3878	24.603	27.5531	26.7491	27.1009
ACAD10	2.24828	2.00719	2.53219	2.51959	2.0804
MRPL36	85.9011	113.965	106.298	93.1745	98.8156
RFWD2	8.37968	8.49603	10.2168	9.51091	8.57301
CLTB	123.51	120.631	126.385	129.42	115.607
KCTD20	5.73919	5.27983	5.8374	5.52277	6.11633
DIMT1	26.1841	22.9741	31.1537	26.3825	28.0011
FAHD2A	25.3242	24.5825	24.2502	27.8794	23.8432
GGA1	33.1534	28.1056	30.5218	34.5969	27.0211
SDHD	51.6844	54.1233	56.1662	51.7864	57.0767
TAF7L	0.0191363	0.0817777	0.119785	0.0952747	0.0773218
ZCCHC8	4.37558	4.10923	5.52014	5.16332	4.10698
MGST1	138.373	144.719	132.895	131.483	154.272
RPL35	7729.08	12456.1	8688.11	8033.78	10963
PDHX	12.3797	9.79958	9.72223	10.7463	12.362
OGFOD3	6.01253	6.64216	5.22719	5.83175	6.96015
LRTOMT	1.10787	1.42538	1.24839	1.32052	1.35401
MMP19	2.29746	2.41597	1.95238	2.44904	2.54467
KAAG1	0.782481	0.735456	0.481529	0.565538	0.717837
ZNF211	1.22083	1.63076	1.31426	1.28967	1.73642
PDE8A	4.94547	5.25839	5.40288	5.4979	5.10947
PEX16	23.934	25.0508	23.8964	24.3725	23.1684
ADNP	11.5529	10.4457	11.1468	11.2678	11.0489
PRCC	20.6834	23.5933	22.5591	22.2354	24.0193
ZFYVE21	25.6046	29.2561	26.4307	25.9455	30.7178
NTPCR	39.6146	48.7319	33.1242	37.5195	46.7488
APMAP	44.7325	55.308	48.3801	48.2879	53.3433
CCT6P1	2.45712	4.2341	2.82966	2.90466	3.9663
MACF1	5.17141	3.96126	4.56373	5.05993	4.41897
RAD52	4.09612	3.72989	2.73369	3.99057	3.47998
VTA1	7.53751	7.68564	6.64219	6.41142	8.52618
AKT1	64.3555	70.6265	66.559	66.6276	68.269
ZNF263	12.0685	10.4892	13.0042	12.5003	10.0595
WDR3	12.2602	11.2463	13.2887	11.9848	12.2765
POMP	79.4536	87.4976	80.4579	79.653	86.9868
RHOT2	40.7223	42.2175	40.6263	41.6261	40.4723
TMEM249	1.79195	1.37854	1.25175	1.6359	1.59703
ERGIC3	127.838	162.548	137.593	127.201	160.437
NUP155	6.46791	4.8936	6.04118	6.15798	5.35285
MBOAT4	0.0367184	0.026029	0	0.0306985	0
RHOA	238.552	265.496	277.725	246.58	266.536
MYO9A	0.227551	0.186791	0.236439	0.196773	0.243469
FXYD5	452.231	482.665	426.357	440.129	462.042
UBE2J2	29.5006	28.3267	34.8067	30.3156	29.9092
ANKRD13D	19.9778	18.2868	17.4503	21.1659	17.0689
USP9X	6.53256	5.94222	6.45958	6.23901	6.82301
WBP2	162.632	144.789	133.38	158.333	138.523
UBTF	17.3488	17.9366	18.6158	17.687	17.5486
ZNF668	9.13953	8.95446	8.89039	9.08693	8.04781
LOC440434	8.76592	8.24673	10.9173	8.59099	9.16328
TMEM230	49.2456	67.345	60.5352	53.1577	64.9588
TDP2	14.3414	13.5567	15.2323	14.689	14.0121
RAI1	4.49028	4.02927	4.63802	5.22085	3.83327
PROSER2	4.14493	3.88328	3.82126	4.11749	4.08938
ZNF259	37.0249	33.5964	41.0649	37.5296	33.36
CDCP1	25.3791	22.7649	26.1278	27.5347	22.6605
ARHGEF18	10.8157	9.17814	9.53779	10.3336	9.20392
FAM179B	0.633893	0.750086	0.641443	0.601131	0.735452
FJX1	23.1529	32.5578	27.6754	24.3976	31.8757
KIAA0146	8.46243	9.30389	8.09703	8.79833	9.78123
GPLD1	0.294641	0.266115	0.404437	0.268181	0.354994
CDKN2AIP	3.83913	5.42993	5.28825	4.05848	6.4242
UBR2	2.81321	2.82544	2.5476	3.03781	2.7794
CPLX3	0.0900951	0	0.162971	0.17398	0.0559481
ATP5G2	778.735	863.248	792.036	784.335	790.591
PURA	4.43781	3.59151	4.31388	4.3581	3.66159
GOLGA2P5	1.41505	1.53758	1.40351	1.64463	1.64258
KCNQ1OT1	0.0722017	0.0816298	0.0633249	0.0853379	0.0712359
P2RY11,PPAN,PPAN-P2RY11	45.3035	45.4107	43.6707	46.4331	45.3591
GPX8	12.0154	15.2611	14.0305	13.5681	15.1127
ARF1	288.471	301.77	290.865	287.516	303.885
DHDH	5.68008	9.18577	4.3255	4.40666	9.54749
FAM22G	0.131469	0.126117	0.0873009	0.131585	0.0623261

GLE1	35.5148	33.4771	32.6719	33.8825	35.8519
FDXACB1	1.38621	1.7568	1.46773	1.33409	1.90398
PCNXL4	13.4936	9.6958	12.9559	12.2227	11.1898
PCNT	2.25765	1.85663	2.38955	2.55643	1.83461
RPL29	4703.12	6525.13	4906.94	4643.63	5910.01
MAP3K8	0.891222	1.41376	0.667367	0.770244	1.49435
TCEAL1	8.84836	11.807	11.7039	9.89333	12.5175
PLAC4	0.126557	0.126187	0.0495935	0.105817	0.130402
MBD1	13.5414	14.8434	13.783	13.9024	14.7845
PREP	15.3476	14.1181	14.3853	14.5079	15.9222
NDUFV3	28.5955	28.97	29.993	27.4084	28.5965
COQ5	16.5563	14.209	16.9769	16.8623	15.8078
SYDE2	1.58753	1.73587	1.25735	1.26918	2.06552
ZNF140	7.03253	6.23941	8.17315	7.3098	6.76564
RRP7B	4.76834	4.9994	4.72401	5.55642	4.47797
LOC100190986	0.84415	1.20108	0.875085	1.20204	1.06601
COMMD2	3.01647	3.79883	4.23346	3.3181	3.97669
TBRG1	3.55263	4.83333	4.7861	4.45308	4.48024
IL17D	2.16891	3.04903	2.59804	2.87102	2.60539
NEK6	31.3243	35.0053	26.2242	28.3392	35.9234
AK2	70.8253	68.3113	72.7934	68.3769	74.1377
SLC12A6	1.3281	1.07695	1.09681	1.14634	1.13052
SEC62	9.00464	9.51567	7.87935	8.04193	10.4629
NUDCD1	21.4175	17.2136	23.3681	20.1818	19.6884
UROS	19.3951	23.3322	24.8807	20.3023	24.9804
RPUSD4	21.7862	21.4781	24.4763	23.1259	20.1747
HLA-E	139.003	162.514	139.788	137.747	153.055
POLD2	148.182	162.312	148.651	152.494	161.853
REEP2	42.5334	55.7702	39.1177	39.1904	57.8402
ZC3H12B	0.255697	0.283752	0.249557	0.26064	0.293553
MCCD1	0	0	0.0700656	0	0.0713455
ZMYND19	85.8885	83.2875	84.5845	88.0086	85.0332
LOC648987	0.888978	1.45052	1.63191	1.19535	1.40202
TOR4A	51.1385	51.5898	58.888	56.0417	50.8009
DCTN2	59.3529	62.8015	62.992	60.6949	60.6377
KIAA1731	0.957193	0.800826	0.772877	0.946837	0.888449
ACE	4.74102	3.89674	3.91079	4.50546	4.61134
CSK	75.2265	62.3956	76.082	70.7326	65.5464
RPRD1A	9.85704	9.33684	10.4736	9.56318	9.48819
MRPL40	75.2243	75.861	81.2932	74.7155	80.2199
HLA-C	609.486	726.509	638.174	604.398	722.004
ZNF407	0.856898	0.620994	0.864739	0.824506	0.73121
C16orf70	4.91463	5.07958	5.32009	4.70059	5.43717
LONRF3	3.03766	1.73939	2.41602	2.3417	2.16641
CD7	0.0749994	0.0493821	0.0900768	0.0631524	0.0893624
SORT1	4.80058	5.42872	6.0154	5.02609	5.80983
KIAA1598	4.12673	3.27535	3.96157	4.42585	3.35262
KIAA0141	10.7616	12.0132	13.1305	11.8083	11.8554
SPG21	78.0121	83.8395	79.5767	76.9424	89.1105
SAR1B	2.67555	3.38454	2.95064	2.86499	3.31043
EMB	1.65372	2.17494	1.97999	1.55072	2.49903
SENP1	3.36261	2.71783	3.5561	3.54681	3.02692
OCRL	9.07912	8.2264	8.2957	8.6091	8.71728
UGGT1	3.47338	3.54913	3.72665	3.60784	3.36529
TRIP6	303.25	285.881	281.109	289.899	285.997
PCSK7	8.26268	7.97252	7.92931	8.8011	7.41601
KARS	70.4567	77.3535	77.9477	72.9467	73.9204
SLC19A1	22.1321	18.4767	22.7097	22.0593	18.5619
EIF4H	199.4	182.921	190.49	196.619	188.427
MRAP2	1.36546	1.18294	1.37532	1.28053	1.35316
NTN1	2.94481	2.71889	2.90532	2.98672	3.11251
ZNF564	1.89952	1.90477	2.04246	2.02123	1.75743
RXRA	15.9158	16.9166	14.8993	16.5283	16.2631
MFSD8	1.18218	1.03678	1.3139	1.28112	1.16359
HEXIM2	5.65299	6.34602	5.54283	5.91093	5.17799
RLIM	4.54129	4.31833	4.24748	4.11698	4.74773
VPS13D	0.889943	0.813983	0.836661	0.921384	0.807021
KIAA0825	0.0114237	0.0287905	0.0230953	0.0143052	0.0160401
LOC440311	0.235582	0.265387	0.244073	0.244375	0.209018
RPL24	3797.31	5370.96	4024.89	3966.63	4703.12
ZNF503-AS2	1.58538	1.62238	2.63127	1.92543	1.56228
BCAR1	25.6705	24.4028	26.2483	25.8166	25.6923
FSTL3	30.2839	37.0662	36.6104	27.9064	39.7267
VTI1A	3.49428	3.37366	4.6168	3.8092	3.45823
HYAL2	15.8559	21.2909	16.6998	14.8898	21.4353
PRPS2	27.886	29.6033	26.4226	26.7184	32.3124
AHCY	168.833	200.599	190.113	176.634	190.207
KIAA1614	0.0367803	0.0361459	0.0219225	0.0305806	0.0659155
SIM2	3.48425	3.23556	3.63268	3.76575	3.47732

LZIC	10.6407	9.9438	10.5941	9.48582	10.8871
ARHGAP11A	6.48703	4.9676	6.649	6.94239	5.00122
PLD2	10.3653	12.6253	9.90521	10.9541	12.189
ZFAND5	12.2304	14.4998	12.4665	12.7635	13.875
CKAP5	15.2846	12.4636	15.9815	15.5624	13.566
ATP6V1F	614.118	634.314	588.005	590.055	601.341
SEPT6	7.12249	8.15225	7.25751	7.4268	8.00315
APOO	13.411	12.3099	11.7115	13.7973	12.0304
TRPM7	2.44208	2.2728	2.80548	2.67304	2.28662
AFF1	2.46719	2.27404	1.99004	2.44791	2.47045
CASP2	11.0725	12.6731	11.6836	12.4112	12.8208
CHRNA5	1.75297	1.44136	2.04915	1.873	1.63284
HAUS1	36.9971	34.7198	39.5377	37.4949	36.2191
GNPTAB	2.60877	2.88411	2.1597	2.48278	2.98089
ZNF563	0.881371	1.06197	0.88388	0.984173	1.03303
C8orf59	138.909	136.517	165.827	138.641	134.534
ANKRD32	1.11967	0.714989	0.819094	1.14757	0.92074
HERC4	6.48156	5.69428	5.9928	6.43899	6.03787
CIAPIN1	19.8347	24.3404	24.8516	22.2143	23.935
CHD9	1.78618	1.93122	1.75007	1.95517	1.91793
LSG1	6.69484	6.1327	7.98503	6.72707	6.53369
DDX39A	61.9	53.8027	73.0279	71.5831	46.0403
FAM21B	1.18143	1.09392	1.00633	1.09683	1.11947
WAPAL	5.52447	4.46679	6.02707	5.90856	4.80971
LONP2	14.9099	13.5558	13.3606	13.7058	14.9344
TMEM181	4.6438	3.96791	4.62338	4.89517	3.97856
USP42	2.30676	2.43836	2.59992	2.7424	2.21961
PRPF3	9.38538	7.28523	11.0682	11.0092	7.50903
PPP2R3C	15.5067	17.6805	19.6212	18.3261	16.8139
BRCA2	0.167345	0.220481	0.100415	0.188094	0.217515
ERCC8	2.80586	2.63642	3.94559	3.09408	2.62674
CHTF18	18.5228	16.3201	13.7891	19.9665	16.7507
SPIN1	8.35377	9.37263	8.70872	8.06832	10.0442
TMEM127	7.94119	11.0177	9.37013	8.84975	9.85445
ZNF746	11.7896	12.7168	12.4003	12.5418	12.3645
CCDC28A	18.1883	16.7415	18.9513	18.3024	18.2909
NOSIP	62.0843	64.4436	83.5557	69.571	61.6465
IRAK1	133.8	146.185	138.583	134.535	142.88
FAM217B	1.58313	2.41128	1.7783	1.70489	2.37844
KCTD3	5.38698	4.25195	4.90956	5.39823	4.51554
DYNLL2	17.1661	25.5534	21.1185	18.1824	26.0455
NUS1	10.3577	11.3437	10.9727	10.3744	11.7005
TRIM35	3.99954	5.23904	6.12807	4.47317	5.65946
KIAA1211L	0.242659	0.139855	0.330056	0.227177	0.259207
HOMER3	85.2382	80.6512	91.0594	82.6369	81.543
PFN2	43.521	50.7332	46.4753	43.8554	55.2412
LRRC16B	0.418518	0.450661	0.32132	0.496478	0.402892
LOC152217	17.5403	30.7128	24.9196	21.0783	28.0219
YAF2	2.55047	2.38223	2.83543	2.46671	2.85623
MTMR14	20.0844	21.527	23.3922	21.964	22.2019
ABCC1	11.4307	10.5645	10.4375	11.3387	11.1867
RNASE7	0.0185096	0.025908	0.114972	0	0.0961964
VWCE	0.411051	0.49859	0.449043	0.501118	0.556163
AP1M1	18.7629	17.7618	18.8279	19.6923	18.6987
FAM117B	1.33054	1.3751	1.33656	1.15539	1.67106
ADAR	20.6204	21.2683	20.9049	22.2083	21.329
TWF1	25.4864	29.0775	26.2514	24.1711	31.3196
SNX8	18.1329	17.0828	14.6496	17.6126	16.1
UBXN2A	4.07106	4.51725	4.89712	4.15244	5.00142
BAIAP3	1.95752	2.26483	1.89903	2.01517	2.21021
CMTM2	0.167012	0.219541	0.0807088	0.166333	0.166996
FAM182A	0.0344888	0.0243208	0.026581	0.0144402	0.034243
ANKRA2	3.02613	2.66455	2.81886	2.85481	3.19131
SF3B3	26.36	23.4973	23.1201	24.6788	25.3778
ERCC6L2	0.342253	0.426904	0.354865	0.362284	0.416576
SPATA2L	15.3508	15.6184	16.3323	16.7242	13.4976
TBCD	12.8096	16.0505	10.8386	14.3209	14.8273
TIGD6	0.850222	1.09127	1.05772	0.869212	1.04055
COPG2,TSGA13	14.3886	13.2205	14.6544	15.9989	12.2938
MICALL1	18.8011	19.9598	23.6626	20.4922	18.8725
MTERFD1	36.8881	28.8568	36.3336	34.8724	32.6608
CEBPA	15.114	28.3718	21.2708	18.4931	25.9574
DCTN1	30.7322	33.7975	29.4109	30.4891	34.2183
AP1G1	5.99204	5.77868	5.48785	5.40621	6.61875
RAPGEF5	1.06373	0.789278	1.031	1.06538	0.917005
TJP1	4.81113	4.18316	5.76194	5.2915	4.35686
ANGPTL4	152.075	110.093	80.9168	115.571	120.714
RPS2	10505.4	14320.5	11248.2	10831.2	13007.7
GTF3C1	6.57808	7.03566	6.29299	7.1039	6.8226

MCCC1	14.5622	13.5641	16.3656	15.0088	13.7343
CEP290	0.777687	0.91743	0.288642	0.754618	0.996475
C5orf51	4.28796	4.22015	4.87851	4.49911	4.39703
LOC90784	2.89177	2.18815	3.85267	3.35755	2.73985
JDP2	3.34897	4.47614	11.2409	6.58635	4.74073
UBE2D2	30.3479	31.7631	38.9167	31.7564	32.7036
NUP214	8.42036	7.31279	8.47634	8.74211	7.76408
WASL	9.21191	8.71392	10.4244	9.46285	9.6997
SKA1	8.21449	7.24274	11.0047	11.004	6.79168
CALM1	33.1092	44.2572	35.9103	33.4935	47.4176
C17orf96	21.5229	21.949	27.1472	24.4198	21.3164
HOXA11	3.57109	5.55232	6.42945	4.80716	5.70773
PPIA	615.074	609.451	645.224	618.145	617.151
CP	1.84344	1.7954	1.29821	1.65746	1.78538
MTBP	3.26957	1.88187	2.7073	3.04198	2.30477
ZMYND12	0.130225	0.34722	0.110517	0.108313	0.172737
DNAJC9	30.2175	35.5555	42.6045	37.8601	37.1088
RABL3	4.16755	4.38115	3.91054	3.72039	4.76158
ZNF75A	0.772136	1.56591	1.24725	1.10607	1.58748
DNM1L	11.3666	10.4953	10.9983	11.8766	9.69425
LRRC71	0.928982	0.416737	0.330136	0.5888	0.671886
EFNA2	4.86267	5.62258	3.77913	4.7887	5.04914
B4GALT6	2.6175	3.61595	3.94443	3.11449	3.66876
FKBP4	64.4559	65.9065	71.4551	67.7471	67.6409
C9orf85	6.77319	6.91246	9.13219	7.16776	6.79629
PPP2R2A	18.7402	18.7346	18.0571	16.8671	20.8553
KLHL22	8.48962	6.5783	8.64768	8.84554	7.48049
MTMR6	3.11033	3.13871	3.90974	3.59371	3.16383
NAAA	8.41591	12.1696	8.42183	8.57508	12.7806
CPMK1	26.2456	28.2105	27.3918	28.2629	28.8032
PDCD10	31.5148	30.1488	34.5783	30.2638	34.0213
ABT1	19.182	25.9741	22.1892	19.4704	25.5577
AKAP1	12.6691	10.8606	13.7602	12.6521	11.9664
SNTB2	1.53093	1.40412	1.51408	1.58082	1.36713
UBAP1L	2.0722	0.553712	1.50324	1.97647	1.16001
SNRPC	105.811	108.158	115.43	117.827	104.37
CLTA	258.658	256.13	289.487	275.494	245.155
SLC35E4	8.82886	10.811	11.0602	9.65676	11.0907
POLR3G	3.90032	3.23597	4.17108	3.58635	4.18261
CHRNA3	0.144794	0.203813	0.154648	0.127031	0.322527
ERAL1	49.7693	52.597	45.8843	49.8345	51.6545
VPS13A	1.7138	1.41976	1.14807	1.56649	1.53097
SMC1A	5.80341	4.69912	4.64351	5.65025	5.36589
TEP1	1.11685	1.22926	1.01628	1.10248	1.39496
ANKDD1A	1.09177	1.5095	0.965283	1.10011	1.37262
TST	62.9205	77.6352	90.0511	73.8233	76.8261
PHLDB1	3.45627	3.39248	2.79406	3.36444	3.34884
TMEM133	0.400948	0.724457	0.559876	0.690726	0.611805
RBPJ	8.81154	10.0781	6.99173	7.24753	10.997
CCSER2	1.5797	1.56015	1.69995	1.5066	1.7632
SNRNP200	28.0346	25.2959	27.2977	29.9003	25.5078
BTAF1	3.75495	3.4263	3.37672	3.76749	3.44259
MRPS33	26.2176	29.9537	30.2303	27.7083	26.5113
BAI2	3.66037	2.82923	3.18466	3.32266	3.64886
PRDM4	9.97028	10.5767	10.1008	10.6805	10.2877
USP16	5.25077	5.51418	5.94622	5.42652	5.83879
CDRT4,TVP23C,TVP23C-CDRT4	9.82565	7.73046	9.16061	9.76052	8.44523
SFT2D3	4.81469	8.39229	6.47993	5.78169	7.73965
FAM208A	4.80902	4.2694	5.25913	4.90212	4.99628
TSPAN17	21.9085	29.2363	24.8353	25.3825	26.6608
METTL23	22.6217	27.5518	21.4443	21.4278	27.5853
SAP30BP	25.1605	23.6841	25.9605	28.1804	22.769
PEMT	72.7277	63.6262	68.1694	63.698	70.8429
SLC22A5	2.58076	2.71262	3.26803	3.40684	2.63342
ZNF57	3.31896	3.40499	3.29725	3.33227	4.22677
GALE	93.6714	78.0849	91.2123	91.464	76.8088
NEK2	10.6704	10.1085	12.0607	10.9094	11.0074
TIMP1	504.603	597.406	456.631	462.574	630.939
SETD1A	8.51761	8.61044	7.19131	8.15621	8.67405
ABCA10,ABCA5	0.532841	0.46535	0.434788	0.468492	0.537454
CPNE3	21.3397	23.7746	20.4304	20.1649	26.1233
KIAA0100	14.2865	15.9703	14.2884	14.5658	16.3379
PLEKHH1	2.50096	2.19439	1.92994	2.34428	2.6512
STAM	6.01313	6.50451	6.88946	6.2864	6.3522
DOCK1	6.01001	5.51243	5.75372	5.47582	6.51886
SLC10A3	24.1726	31.7382	28.3933	26.2061	30.7571
DYNLT1	77.5868	87.0652	82.3344	76.3091	89.8111
ICAM3	9.55252	10.3153	8.64981	8.89109	10.4296
BEND7	8.3171	7.07603	8.32363	8.50437	8.28203

METTL13	11.5348	11.6854	12.2724	12.4259	11.6619
SLMO1	6.70993	6.06125	8.8238	7.79138	5.08386
GCC2	0.999646	0.896591	0.578915	0.979432	0.897114
CBWD1	8.34418	8.27335	10.1816	8.64145	9.31905
DENND4A	1.25845	1.04724	1.18215	1.18094	1.08303
ZNF100	1.55271	1.72632	1.46227	1.49243	1.93133
PLD1	0.266975	0.144068	0.202023	0.177545	0.238188
FPGS	122.53	133.687	124.409	125.451	131.426
NLRX1	7.34529	7.29159	7.51019	7.67685	7.16143
ABHD15	4.83054	6.42105	5.80492	5.10123	6.34035
PPP2R5C	38.7532	32.9854	37.4968	36.1349	35.6641
KRAS	5.07709	4.52995	4.94841	5.23462	4.76038
NCOA5	6.53972	8.34266	12.0504	8.20746	8.60074
SERINC5	1.78355	1.63397	1.52135	1.62378	1.52683
SLC39A13	34.3686	29.779	34.5231	33.8225	31.7386
TULP4	1.44208	1.50047	1.50778	1.54575	1.41997
IGF2BP2	32.0019	26.9572	33.0424	30.9363	29.7394
BCL7A	8.12901	8.54854	8.35768	8.87617	7.83138
STARD7	32.9932	36.8089	37.9124	37.0613	35.9237
SLC30A6	3.07118	3.54847	3.96739	3.22883	3.81035
PEX12	0.995179	1.06128	1.61453	1.27949	1.25086
ARF4	58.0402	66.3139	74.6481	62.7598	68.1613
CCDC88B	5.02891	5.79364	4.6734	5.60504	4.90863
MAP6D1	7.60884	9.43082	6.96399	7.76628	10.3186
UBFD1	7.23787	7.1085	7.63945	7.15464	7.35633
NAB1	4.75259	4.92382	4.50801	4.62226	5.45959
KCTD19	0	0	0.0112923	0	0.0115532
CSNK1E	75.4229	70.2637	66.8663	71.8821	74.4075
NPHP1	1.03984	1.29467	0.887933	1.26698	1.06976
LOC100272228	0.101443	0.141346	0.11487	0.0988123	0.131103
MBLAC1	2.60321	4.00611	3.64359	3.82218	3.5527
KPNA3	6.4997	6.68216	7.35286	6.75245	7.36883
SART3	12.8942	11.1105	11.301	12.9002	11.9055
VBP1	25.9645	27.4497	29.6958	24.9255	31.01
ZBTB14	1.6513	1.65646	1.70282	1.6328	1.92376
MRPS18A	69.3892	61.5351	69.5061	69.2668	57.0423
AGPAT9	5.61914	5.60433	5.60425	5.94175	6.37952
FBXO48	0.143824	0.102468	0.213709	0.215321	0.0762152
RPP25	56.6956	63.5371	63.262	62.1017	57.2392
TDP1	8.78985	8.13286	8.13271	8.88387	8.0935
DISP1	0.284517	0.141073	0.198461	0.241096	0.111495
MERTK	0.795586	0.694301	1.09413	0.905422	0.683059
SIPA1L1	6.11434	5.14429	4.81196	5.72103	5.53193
NEIL2	20.9976	24.545	20.7884	20.6268	23.9707
MIP	0	0	0.0600671	0.0482072	0.0129475
MYL12A	362.215	362.623	386.392	356.76	366.753
STK35	6.96242	7.32739	6.59726	7.6074	7.00201
ACSL4	9.983	9.24056	9.86901	9.77959	10.1544
ZNF277	11.292	10.5794	13.2699	11.8771	10.9297
FAM72D	2.03626	0.823472	1.73771	1.83898	1.03161
NGAMT1	2.40077	2.91277	3.14372	2.31966	2.72471
FAM84A	0	0.00598607	0.0051275	0	0.0113805
UBL3	3.66582	4.85253	4.26798	3.49881	5.22736
CERK	11.4517	12.7999	10.9528	11.0764	13.5562
CWC27	10.1604	9.59786	8.57095	10.1379	9.83559
C6orf226	7.51111	13.1549	12.3582	9.57724	12.7249
UFC1	88.7681	101.579	94.3263	91.6743	94.7271
SUOX	5.08182	6.48324	5.31647	5.99945	6.85302
PRPF6	32.3289	32.1197	30.1219	33.1105	31.0292
TAF5L	6.13796	6.48791	6.7022	6.32251	6.92827
FBXO41	7.07633	7.10224	5.47232	6.82715	7.18988
IPO13	5.09704	5.38713	6.21494	5.59199	5.45654
STRIP1	5.56736	7.17337	6.75635	6.54065	6.85319
ERCC1	250.277	187.222	251.772	236.25	209.505
ASGR1	14.9481	14.3528	14.596	13.3043	16.0482
PIM3	45.6234	36.1035	52.6537	51.0914	32.2767
MBTD1	2.64756	2.57495	2.52817	2.68256	2.52126
TRIP13	8.54188	6.80949	8.67142	9.55339	6.76631
RBM12B-AS1	1.34239	0.433671	1.51516	1.45733	0.80707
RPL19	5198.7	6654.96	5433.12	5265.68	5915.13
PCSK4	1.19163	1.22463	0.803751	1.11542	1.58609
HLA-B	368.128	518.029	396.927	370.43	503.567
ACTR2	34.9597	33.9339	36.1916	35.0136	35.9663
DPM2	146.125	151.882	131.924	150.258	140.503
VAPB	6.94265	6.1152	6.85974	6.7839	6.76136
SFR1	5.08073	4.2095	5.24372	5.03818	4.58315
TGFBRAP1	1.14787	1.25212	1.59375	1.186	1.48359
PITRM1	22.6088	24.438	21.6091	23.2283	23.9324
PIP4K2A	8.00789	6.95053	7.7599	7.96961	7.39798

USP54	1.01066	0.85785	1.04633	1.07696	0.863777
FAM129B	120.192	137.684	81.2754	98.2202	152.699
C20orf27	120.034	127.396	126.138	120.401	123.877
USP5	31.5557	31.7045	28.6963	31.7589	32.8183
KPNA5	0.486604	0.695403	0.602784	0.545326	0.592866
C15orf57	18.1655	19.9354	20.8206	17.8612	21.2957
TERF2IP	26.0447	23.555	24.9877	25.8052	25.9133
C1orf122	57.0231	62.4731	70.8796	64.6553	58.3594
KLHL26	5.49644	5.60866	5.87447	5.55996	6.54855
ASPSCR1	23.9042	22.7418	23.383	25.7553	21.3503
APH1A	98.2427	114.017	108.678	102.611	113.034
COG6	3.67883	2.9987	2.84143	2.90328	3.58346
GGPS1	8.74572	8.61309	8.81113	7.78118	9.3117
OTUD4	4.0191	3.89854	3.96736	3.95328	4.36706
AMZ2	44.1238	53.775	43.8854	44.5315	53.4806
DPP7	343.289	408.163	298.667	357.684	366.682
NOL11	16.0864	15.4546	18.4871	16.5009	16.9489
HIATL1	16.4167	15.7422	19.8336	19.2037	15.7245
ARL16	22.1035	22.8186	25.7564	23.5503	23.032
CTR9	8.94325	8.14791	8.80452	8.78217	9.15405
EAPP	20.829	24.7926	21.3571	19.6717	26.2041
MAFG	9.61316	7.58939	11.26	10.6908	6.70076
MBD2	10.5876	10.7794	11.6747	11.2511	11.2649
ATP7A	0.550176	0.610777	0.430335	0.478132	0.663157
FTSJ3	15.7117	15.7852	13.9873	16.1892	15.822
DNAH10	0.0671627	0.0783513	0.098575	0.0849238	0.0756101
TNNI3	10.4017	10.0581	7.80536	10.0371	8.5947
UBE3C	17.2405	15.3273	19.6543	18.3893	16.5847
KCNJ13	0.0323811	0.00967201	0.0385717	0.0431474	0.0169929
TRAPPC2	9.80664	11.5694	11.3853	10.5739	11.3261
TJP2	4.93717	4.99355	3.80624	4.26257	5.99247
SLC20A1	7.61985	10.6332	8.32807	8.45553	10.7308
LPHN1	14.2621	11.6545	12.1957	14.0867	11.9201
IAH1	39.7611	41.6404	41.6768	35.6267	42.4201
FRMD4A	16.6294	12.6627	11.3672	14.5731	14.0901
SMIM8	1.98631	1.48418	2.4048	2.02495	1.81129
C1orf170	1.0159	1.02263	0.974841	1.20433	0.853019
NSUN4	6.20187	6.23167	7.63408	6.22783	6.75568
ISOC2	80.2863	88.3881	82.9995	81.9009	84.3455
FOCAD	2.19482	2.22701	1.93355	2.12616	2.32119
TRIP12	10.0524	8.39445	9.46251	9.98316	8.89114
SLC18B1	8.52189	8.94495	9.33284	8.42708	9.95386
TTC7A	3.29503	3.57839	2.54433	3.35833	3.36803
MACROD1	95.0686	86.0326	106.563	94.0414	93.1043
SNAP29	7.15711	6.96829	6.37774	7.03823	7.12266
ERI3	51.8247	56.9997	51.1962	54.2541	57.0157
PEPD	37.9881	41.1633	38.7969	37.8795	41.1356
RNF152	0.838174	1.10839	0.70176	0.80088	1.05673
DISC1,TSNAX	10.5254	9.51083	10.049	10.0254	10.4334
STAG3L2	1.22967	1.79465	1.40973	1.28346	1.54241
IARS2	32.4636	27.2674	27.3282	29.5857	31.3912
SLC22A18	16.8417	14.8926	13.6198	17.4621	13.9661
ATP6AP2	32.1609	33.7196	33.5981	31.3941	35.8868
KDM6A	2.26448	2.18972	2.46315	2.49019	2.38027
DERA	16.3347	17.3058	14.6471	14.7743	20.8435
RPS7	3639.88	4909.01	4285.79	3827.05	4309.15
TMCO1	11.1056	12.2787	14.3763	12.2385	12.9681
NAGK	14.2826	12.2521	15.114	15.8308	11.9244
OGDH	7.74597	7.23988	6.47056	7.88253	7.65921
PDX1	1.65137	2.69492	2.29219	2.04464	2.35208
RNF41	9.66858	9.59647	12.1208	10.071	9.39237
ARMC10	34.978	33.8771	38.7194	34.5945	37.512
LOC646626	1.4774	2.71397	2.66313	2.20929	2.31934
TCF12	8.581	7.36999	8.72405	8.61041	7.63307
TMEM179B	57.0626	60.5394	59.5	58.3468	58.4431
CYTH2	19.7514	20.3131	17.8641	19.3545	20.7362
ZNF444	24.3133	18.5133	27.715	24.2473	20.7424
ILKAP	30.1356	26.9232	37.3959	35.5536	25.5983
TSSC1	13.9577	13.75	15.5302	15.2097	11.8055
GARNL3	1.42592	2.25562	0.887535	1.31315	1.9143
ARID3A	6.42201	4.88428	5.19636	5.50363	4.78668
CIDECP	3.27865	5.48215	5.07174	3.40906	4.88635
TFPT	9.02483	12.2772	10.8337	10.0873	11.3928
FLVCR1-AS1	2.589	2.16275	2.03743	2.03175	2.56101
CAPS	1.78223	2.22353	2.46591	2.03784	2.74103
NDUFV1	171.528	177.904	162.519	170.376	176.506
FBXO34	4.20899	4.79388	4.80522	4.40089	4.91006
ZDHC23	3.03373	3.42904	3.79495	3.51769	3.29185
REXO2	78.4122	69.2876	87.6963	80.9526	76.7168

FAM111A	4.24374	4.02146	5.48055	5.32046	4.07701
SUCLG2	24.3783	28.4208	23.4132	21.967	31.539
DDB1	64.4227	66.351	63.5311	65.5922	69.1565
NRDE2	1.59134	2.1323	1.88484	1.74092	2.29938
HAUS6	5.57823	4.25018	5.16562	5.70273	4.7146
MGA	1.28508	0.900254	1.3262	1.22936	1.02247
CRNKL1	4.27065	4.92037	5.20733	4.94435	4.91063
USP22	38.1165	37.0518	35.7834	37.7187	39.1621
NSMCE1	74.4723	70.4502	80.1707	74.2697	74.5699
AFG3L1P	3.63356	4.88501	4.21657	4.70777	4.89461
PUS3	9.21427	9.1444	10.0516	8.63813	10.4357
MRPS26	141.954	141.695	133.269	143.818	145.848
TAF4	4.63456	3.94388	4.85207	4.98692	4.14069
DYSF	0.146189	0.115884	0.163806	0.114277	0.169492
PWWP2B	27.3265	16.9552	27.9777	26.2107	17.7616
LACC1	1.05616	1.06452	1.00712	1.06915	1.07655
PRDX3	89.6681	83.961	90.7859	87.1439	92.4865
LOC730183	1.84619	2.59797	2.61198	1.83045	2.4284
MFSD5	19.9332	25.7823	21.9731	23.2463	23.1386
POLR3F	3.90638	4.10466	4.60823	4.6333	3.3958
CSDA	123.418	130.845	145.245	133.508	130.363
SAMD4B	11.6749	10.4676	10.3128	11.5327	11.1153
GOLGA1	5.62678	4.98888	5.18905	5.58072	5.88354
CORO1B	131.667	121.462	129.429	136.16	115.773
GOLGA8B	6.06836	6.12239	3.75422	5.93352	6.83278
RAD18	3.92867	3.04639	3.36303	3.76737	3.40428
VASH1	2.1003	2.0952	2.37725	2.03794	2.19608
NFATC1	2.94728	2.80049	3.46476	3.39509	3.21375
CHMP4A	33.0421	31.8784	38.0499	37.1801	29.7528
PSMB2	32.4795	30.5428	31.6572	32.9526	32.4093
SMCR7L	7.93309	9.7054	10.158	9.07061	9.70763
SKA3	11.1509	7.45782	13.9687	12.7014	8.11674
SYAP1	22.7156	23.8775	22.0956	21.0927	26.0665
NEK3	8.8102	7.73302	8.47448	9.56757	8.3227
ITCH	4.3683	3.97994	4.77042	4.45006	4.32458
COPB1	21.426	20.6765	21.9978	19.8901	22.8729
COA4	94.7408	95.1968	108.965	99.7353	90.8728
PSMC2	29.2959	31.2698	31.8333	31.0906	31.284
UBE2A	24.3737	26.1607	29.5984	25.3359	27.0785
CHMP6	8.59401	15.9307	14.3065	12.6759	14.5442
C14orf80	16.1289	13.4694	19.4918	21.0794	11.7169
PPCS	38.086	44.0225	38.0898	37.9173	43.6562
MARCH5	8.97867	10.0719	10.9741	9.6212	10.4293
ARIH1	9.74801	9.20432	9.03366	9.22585	9.9852
MIDN	10.2711	19.5552	9.87501	12.9431	17.2094
SATB1	3.79456	3.59323	3.399	3.64984	3.7421
STXBP5	0.586253	0.393039	0.614958	0.572753	0.529867
PRSS53	4.00784	4.97997	4.08686	4.86797	4.73941
SNORA48	17.7769	44.2408	6.18967	12.5299	48.1371
OAF	49.116	45.5807	50.1164	52.5988	45.3882
SLC15A4	9.12054	9.51842	9.74776	9.53782	10.0807
ANXA7	22.2873	24.929	26.9203	24.4404	25.587
RNF144A-AS1	0.0209458	0.0147555	0.012924	0.0173446	0.0138355
FDX1	7.01025	7.45782	7.92253	7.05196	7.78596
AURKA	25.7309	21.2332	28.2438	28.833	19.9016
TRIM32	8.14928	8.34672	8.38214	7.93989	8.73843
EML6	0.519177	0.586989	0.453547	0.59814	0.560672
ECT2	10.8699	8.59513	11.3304	11.3195	8.93979
MCM5	32.7577	39.6038	34.2841	40.9186	36.035
DHX30	36.3252	30.6425	35.3544	36.4311	31.892
SDC1	21.9866	25.0038	24.0315	23.6656	24.841
SMUG1	32.1343	31.3071	36.7019	33.8471	30.3688
FAM221A	6.20688	4.35582	6.17166	6.15888	3.91867
YY1	17.2091	14.8717	18.2893	16.1971	17.309
FAM192A	18.3022	15.9639	17.5956	19.8595	16.2372
PRUNE	6.04209	4.98218	5.26261	5.90516	5.20146
UBE2R2	17.0545	17.0276	14.9404	16.483	17.5714
KIAA1024	0.225144	0.136037	0.220226	0.156803	0.192324
CACNB4	0.600435	0.631515	0.424942	0.474298	0.709621
SMARCE1	31.0943	36.4821	34.483	33.0156	37.352
SMA4	0.56047	0.596892	0.4292	0.721197	0.373434
ALDH1L2	0.00555376	0.00405322	0.00350159	0.00463236	0.00380144
ZNF252P	3.03885	3.22958	4.79906	3.70521	3.4729
ZNF513	10.5074	10.0609	9.18135	11.2767	8.5868
SMARCAD1	2.26921	2.17756	2.35721	2.43308	1.96028
GSGL	0.0296485	0.033079	0.021967	0.0579101	0.00759964
GNPNAT1	18.7002	19.0054	21.5024	18.8688	20.648
INPP5K	11.6394	13.0691	15.0885	13.2322	12.2714
AKT1S1	53.0048	47.1128	50.7706	53.8944	49.2939

SMU1	9.24171	10.0322	9.29268	9.33646	9.99411
DGCR5	0.106139	0.124819	0.105758	0.112731	0.0969282
INPP1	8.80027	10.8669	11.7471	10.7916	9.9961
CATSPER2P1	0.273475	0.487249	0.305541	0.297077	0.391726
UBE2D3	103.85	107.547	123.455	110.023	110.201
MRPS31	8.15521	8.18984	10.885	10.3118	7.65598
MFSD4	0.0665342	0.10566	0.0501768	0.066932	0.125418
EIF3I	228.107	240.14	228.546	230.25	238.024
SCAF8	5.35536	6.79504	6.68977	5.70789	6.87424
RHOV	4.23378	8.5243	3.86218	4.38412	7.94065
BET1L	19.614	22.6554	21.7531	20.8631	22.7926
RNF169	1.68031	1.18255	1.07317	1.30402	1.51058
SBNO1	3.04934	2.98394	3.57973	3.19768	3.12364
CCDC127	11.9555	9.8724	13.9855	11.8575	11.2119
CEP97	0.481378	0.524036	0.464408	0.524286	0.504998
PEA15	91.8742	92.2284	114.632	95.5844	93.5215
SREBF1	20.4364	26.1435	22.8568	24.1861	25.1308
MSANTD2	1.86122	1.18159	2.38784	2.44728	1.4517
NHP2L1	136.33	140.653	146.628	135.55	146.068
FAM101A,ZNF664,ZNF664-FAM1	14.6994	15.1055	21.006	17.5212	15.8485
SDE2	4.31443	4.04109	4.04552	4.2174	3.68884
FTH1	524.537	644.063	566.103	564.567	605.936
MST4	11.6777	10.643	11.2129	11.3155	11.9816
KIAA1217	2.65206	2.83625	1.75463	2.30791	3.04452
KAT6B	1.27221	1.19421	1.08582	1.17726	1.44503
GPATCH2L	1.59202	1.17005	1.27744	1.26421	1.42339
FRAT2	14.0864	15.0443	15.4374	15.3579	15.4705
TBCK	1.6936	1.71851	1.40572	1.77723	1.80261
SNX14	11.6197	10.4818	12.458	12.0238	10.9296
NUP37	32.5301	27.2943	36.2249	30.3697	31.8063
HSPE1,HSPE1-MOB4,MOB4	403.941	330.947	343.142	381.32	342.568
PCNP	38.8816	45.7312	43.0137	39.821	48.6392
RINL	0.731936	1.36198	0.913326	0.821917	1.32516
TALDO1	141.314	147.531	135.704	138.242	151.606
ZNF329	2.53311	3.37248	3.07811	2.66736	3.62927
DECR1	124.143	119.798	117.747	122.989	123.188
NOP10	442.634	435.36	508.891	453.084	425.531
ENTPD1	0.889278	1.02944	1.20114	1.08141	0.949865
ITSN1	1.74041	1.61503	1.43501	1.61196	1.58863
SC5DL	2.55752	2.50332	2.57472	2.60903	2.71068
GLYCTK	9.57449	8.79839	8.71686	9.44352	9.18077
LOC441454	0.399715	0.263839	0.297827	0.332807	0.326331
ZNF34	1.54444	2.33356	1.23796	1.68521	2.15118
NEU4	0.0266918	0.0351258	0.0317379	0	0.0962208
ITFG3	24.6777	23.3995	21.9268	24.037	23.019
MAPK12	56.4719	60.0356	57.6907	59.5945	58.7298
BSN	0.0511152	0.0455395	0.0437905	0.0427477	0.0414478
ACTR5	4.62044	5.32965	5.05023	4.66827	5.49147
ALDH4A1	15.5922	14.2254	14.1612	15.5432	15.5908
FBXO21	4.17176	4.59858	4.03584	3.97869	4.8109
PSD	1.10457	0.826399	1.13042	0.969849	1.069
USP7	16.6139	14.4256	16.9645	17.2855	15.4569
TMEM117	0.930782	1.01887	0.853407	1.04595	1.0486
TRIM37	4.20082	4.14259	4.42121	4.41321	4.41228
RANBP10	5.22376	4.96685	5.32089	5.51031	5.03249
AAK1	0.805457	0.818811	1.08476	0.944688	0.847976
BSCL2,HNRNPUL2	28.3995	33.5408	23.6383	29.1485	32.5595
RPL5	1901.17	2643.15	2265.59	2042.72	2455.27
CPNE2	26.6774	31.3536	28.6673	28.6842	31.5984
SHOC2	4.95328	4.18196	5.10034	4.53796	4.97331
ARRDC2	12.8692	18.4409	14.9923	14.692	16.799
LRG1	0.130073	0.0292767	0.0523577	0.108584	0.108497
EFNA1	20.4406	20.0249	18.5919	19.7061	18.9988
RNPEP	34.7556	34.763	34.3617	35.9865	35.9054
ZCCHC17	13.5296	15.1543	13.389	14.5329	15.201
DUSP2	14.2666	25.3228	21.5047	17.8296	23.8617
RPL35A	3580.89	4888.29	3806.78	3670.89	4459.07
DTWD1	8.1763	8.10909	7.99771	7.66766	9.42794
CLPTM1L	40.2146	44.0242	49.2136	47.0103	43.3321
SERPIN9	18.2724	10.6219	12.3445	16.3974	12.0807
LOC100134868	0.506527	0.779847	0.461711	0.563435	0.933255
EMC8	26.3149	26.0459	30.1231	28.2256	26.2322
ARL1	13.7366	15.4559	14.0245	12.9723	16.9217
GRSF1	24.1549	21.3966	25.2539	24.3641	22.2746
NSUN6	3.94143	3.61766	4.02286	3.78527	3.93331
RAP1GDS1	10.1588	9.93977	11.059	10.1938	10.7611
TPR	7.02864	6.20542	3.25354	6.72605	6.94751
WDR77	12.6991	11.176	18.3866	14.3423	11.835
ZDHC3	2.48334	3.16428	2.88231	2.8646	3.08274

LOC643837	1.7776	2.21643	2.29078	2.07825	2.37466
NAV2	7.52269	5.75214	4.92811	6.77111	6.27484
HSD11B1L	0.841325	1.43535	0.818753	0.715526	1.67346
RTF1	13.6813	13.3279	12.4108	13.5756	13.7447
CUX2	0	0	0.0056859	0	0.00585335
AGAP6	5.16998	4.02939	4.24672	5.60579	4.15633
GIGYF1	24.8491	22.2426	20.7288	26.0943	22.0985
BTRC	2.91794	2.59511	2.9431	3.16929	2.66407
LOC100131067	1.16571	1.10968	1.48093	1.43811	1.02694
RPL23	4101.9	5320.96	4321.27	4158.69	4885
GIGYF2	6.23634	6.29037	5.08694	6.17485	6.21277
TMEM164	2.40153	2.14954	2.15917	2.25315	2.52764
INPP4A	2.5516	2.26369	2.41915	2.74885	2.35916
ACRBP	0.27832	0.26472	0.0988571	0.351582	0.163246
KRT86	0.173014	0.0561249	0	0.0715003	0.052144
PHF16	2.632	1.92201	2.75941	2.79258	1.9959
SPAST	1.43946	1.61351	2.15731	1.84258	1.52394
RNFT1	5.57341	7.00553	8.10026	5.91765	7.79618
KLHL20	1.66503	1.83251	1.87874	1.93314	1.52284
CTNNA1	53.0778	55.336	55.0027	54.2063	58.6595
SCAMP1	5.85191	6.2876	6.14541	5.60862	7.04449
ELOVL1	78.1993	98.3331	86.3555	84.0805	97.3603
CCND2	22.7999	22.6529	22.4107	22.0319	24.006
C1D	19.0031	19.5687	19.4323	18.1731	20.2693
BCAT2	106.417	90.5627	89.3029	99.7371	100.738
TMEM101	36.4032	43.5061	38	35.6082	44.4831
DFFB	4.05673	4.03892	4.00165	4.55426	4.2968
VWA5B2	3.35929	3.093	3.25809	3.33551	3.73326
SNX13	2.87482	2.88532	2.47511	2.75188	2.9565
SRPRB	17.8285	21.608	23.5707	19.6238	22.058
FBRSL1	20.8295	17.8472	20.4715	22.4652	17.431
B3GALNT2	5.63078	5.59569	7.20003	6.62498	5.87058
ANO8	2.44253	2.53904	1.91844	2.42541	2.55865
PSMB5	223.776	245.778	229.152	232.054	234.501
ZNF35	1.5527	2.82481	1.95936	1.8125	2.78416
LNX2	1.87614	1.39132	1.47793	1.52676	1.54281
GRAMD4	9.00318	9.38686	8.86895	9.538	8.93911
DDN	5.86616	4.36798	5.42924	6.35817	4.48106
SREK1	4.14791	4.14785	3.38941	3.85613	4.92569
SHROOM1	9.55206	8.229	9.49624	9.56284	9.54834
OAT	46.1765	45.4432	52.9729	47.4677	47.0912
ZNF33A	3.07623	2.56544	2.88991	3.34891	2.45201
EMC1	5.50858	5.24519	5.43644	5.81956	5.43715
ELP2	27.5364	25.7259	28.4789	26.4154	27.7503
LOC254100	0.636063	0.714679	0.867696	0.862841	0.71287
NPM3	154.159	157.061	170.293	155.34	162.532
ZNF791	1.11315	1.27262	1.14755	1.22715	1.27852
ZNF10	2.36302	2.99557	1.874	2.38023	3.01413
C11orf91	1.96937	1.65877	2.20294	2.25327	1.80539
PTGES3	177.432	182.212	167.656	173.653	192.128
FBXO31	12.054	12.7315	15.5536	14.1319	13.3436
RPS6KA4	39.0362	41.5467	35.6418	40.4498	40.9415
RPF2	51.1788	52.6392	49.0838	54.2725	50.6725
C1orf198	9.1167	9.12821	8.24173	8.54493	10.0694
TMBIM1	64.884	73.3155	63.7172	65.2498	74.1625
ARHGAP1	17.5653	19.1622	18.8511	19.1638	18.8428
IL17RA	3.489	3.33676	3.65543	3.83634	3.23338
NR6A1	1.04182	0.742886	0.900889	1.28409	0.465119
PPM1G	109.616	107.677	116.293	122.4	100.389
TIGD5	25.7	26.6104	29.5866	28.0338	25.7019
NDFIP1	25.0227	26.2488	27.3863	27.2614	26.1138
ATP13A1	24.0574	22.5513	21.0374	23.132	23.5588
LCOR	1.64564	1.35301	1.38565	1.36901	1.7817
KCTD2	6.26817	8.04177	7.63609	7.1837	8.36504
HERPUD2	6.03734	6.20669	6.76692	6.1227	6.7712
LOC100131096	1.04489	0.947044	1.13367	1.14197	1.09508
LOC148413	8.35883	9.76813	10.5872	10.3033	9.8575
C3orf35	0.293968	0.348212	0.176977	0.263791	0.39601
RWDD3, TMEM56, TMEM56-RWD	10.5654	11.5189	10.9502	10.7363	11.753
RRM1	29.732	26.4859	27.9457	30.752	27.8903
PLEKHA8	2.74791	1.95	2.3573	2.41186	2.05419
SMCR7	20.21	27.5853	17.8417	19.0997	28.434
RAP1A	20.374	20.315	19.8234	18.8287	22.4821
SPHK2	9.83623	7.43798	10.3368	10.1293	8.30059
LYRM4	19.734	23.3123	20.5383	19.6997	22.647
VPS45	5.2333	4.87972	6.38926	6.29201	4.50928
RSK3A	45.0991	41.0037	48.8275	45.9961	42.35
RBFOX2	15.8472	15.3765	17.251	15.7466	17.7389
MKNK1	9.17089	7.50113	8.81203	9.04612	8.75879

CDCA2	2.36009	2.02363	1.99122	2.60053	1.97258
YIPF6	4.75834	4.5014	5.05233	4.72341	5.00561
FOPNL	11.5017	12.8417	14.5244	12.9289	12.9288
HPRT1	67.7796	73.3096	72.1734	63.1361	82.9002
RPL4	2788.61	4071.13	3194.25	2999.3	3912.36
KIAA1841	0.411758	0.382723	0.363736	0.51252	0.40274
GPFR	0.0682243	0.18118	0.152829	0.0285051	0.26686
LRRC59	42.3473	44.0716	40.8387	45.2471	44.1705
SLC12A8	4.81267	3.80323	4.75524	4.63928	4.171
PPP1R8	19.5818	21.4859	20.0333	20.1257	21.5394
SOD1	333.997	337.539	333.959	331.685	344.652
PRDX6	278.076	293.74	258.938	268.844	311.008
RANBP6	4.15756	5.34769	4.71215	4.59382	5.43
MRPL2	50.0428	46.0921	40.654	50.4752	47.4233
AKAP2,PALM2,PALM2-AKAP2	6.08653	5.95135	5.68095	5.47315	6.33845
BAIAP2L2	0.244129	0.144853	0.131005	0.220986	0.160039
INPP5E	22.5029	26.3371	19.2722	25.1563	24.312
KIF1B	4.34182	3.64782	3.54424	3.8818	4.06568
YBX2	0.0507559	0.0337912	0	0.0424844	0
CDC6	6.89085	8.91566	8.1965	8.47507	9.27562
SLC12A9	24.2351	27.8892	23.5471	25.9901	27.2144
POLRMT	49.6307	36.9732	38.3713	49.0275	37.4351
RHNO1	7.37093	6.63858	9.16896	8.4181	6.50009
SLC37A3	9.59965	9.82623	9.90094	9.72179	10.3878
SLC20A2	6.16174	5.20557	5.73729	6.3054	5.4027
ZDHC2	5.98045	6.02512	7.07636	6.20993	6.02035
TCEB3	1.71445	1.86517	1.8768	1.80084	1.8687
TBC1D16	5.04375	4.35312	4.42753	4.78995	4.89366
GGACT	1.57936	1.24422	1.62861	1.74783	1.3829
CS	64.3741	68.4246	63.1265	67.5835	68.5599
ICA1	3.74997	3.02653	3.37736	3.26911	3.43243
FAM111B	1.03839	1.91982	0.801747	1.1325	2.18521
LACTB	7.34755	7.41228	6.71041	6.87193	8.06404
PSMA2	91.9757	91.7382	96.5452	92.6141	97.3079
SON	12.9976	12.5294	12.389	12.4401	13.6074
SOLH	30.1678	27.0564	31.3	31.8506	29.1941
PKDCC	7.02823	6.96356	7.59654	8.01719	6.18811
TSR3	100.52	107.387	100.243	104.133	101.901
SGSH	16.6481	19.1254	13.5297	16.2712	17.7749
PSMC1	78.6138	81.0863	74.0526	74.449	86.6652
MRPS18B	74.4918	72.6995	84.4371	76.3921	75.5538
CBX7	9.39989	12.0479	9.94131	10.4326	11.9805
LRRC23	5.86602	8.73202	5.2718	6.1659	7.86315
FHOD1	10.5036	10.1778	7.95515	10.5975	10.4542
PDP2	2.42576	1.89561	2.47199	2.39985	2.10176
TSTD2	4.47964	4.61451	5.71275	4.93895	4.8349
RRNAD1	12.4285	15.6254	12.903	12.5764	14.9648
PRKAB1	6.82942	11.3363	9.17566	8.82942	10.3061
UBE4A	6.12551	5.84624	5.99322	6.39016	6.1407
ANKRD40	9.51064	9.102	11.2185	10.1818	10.0587
HSF2	6.99688	5.703	6.59014	6.50563	6.33418
PPP2CA	39.455	46.7399	49.0915	44.6148	48.665
B3GNT5	2.47262	2.33032	2.87522	2.64666	2.56234
DECR2	17.6334	20.5051	18.5714	19.1443	19.7726
QTRT1	52.3925	59.0139	46.4727	55.9998	54.9068
RPS4X	2889.96	3811.45	3070.5	2915.83	3641.68
MAT2B	18.047	17.087	21.96	20.7218	18.1892
EMC2	42.6303	29.1345	31.8443	38.6658	30.7383
CMTM8	16.9726	11.8931	18.2671	17.7634	15.0511
NDUFB10	127.229	118.756	113.346	127.064	114.457
BCORL1	2.96699	2.62434	2.73324	3.28125	2.5603
SLC27A2	12.9009	12.0074	13.6262	13.7027	11.6675
NGRN	46.6346	61.2272	65.2075	56.2734	59.6339
KLHL42	2.94628	3.27861	3.38674	3.15948	3.35682
HCN2	0	0.0726051	0.0657648	0	0.110775
BCAM	27.4715	46.3586	27.0314	29.7847	43.3
NDUFA7	174.785	154.339	160.211	160.54	166.265
CEP95	6.47317	8.2853	5.97961	6.94771	7.57959
SBDSP1	13.2868	16.306	15.9356	15.3005	17.334
DCAF16	8.41224	8.21903	10.5903	9.41763	8.97154
FBR3	25.6816	21.7437	23.2998	24.9515	23.2552
UBA2	22.2295	25.4707	21.5757	21.8869	27.2872
ARHGAP22	45.0667	34.5723	30.3317	37.4915	43.9519
ITPA	66.6291	70.518	81.4625	76.1207	62.7335
SSSCA1	66.409	61.1559	71.8176	73.3201	56.6858
STUB1	53.4391	59.2015	55.3292	54.671	59.1128
LOC100133445	0.984063	2.02863	1.35134	0.59883	2.24928
LOC202181	0.540103	0.536577	0.705255	0.691914	0.52826
CTBP1	39.9738	39.2003	44.7179	42.3486	43.0705

BIN3	13.9583	15.6747	16.7646	14.431	15.1299
KDM1A	54.7095	51.4915	52.6043	55.5119	53.8071
BTK	0.00895777	0.0250632	0	0	0.0351395
LINC00152	447.106	495.135	481.507	456.995	438.605
CUL9	2.43597	2.33645	1.94838	2.38187	2.44832
RPS3	2442.02	3894.47	2630.24	2540.94	3579.01
EIF2A	17.9695	18.4112	21.0642	17.8171	18.7479
CCDC149	1.30568	1.19205	1.42646	1.46051	1.00346
FAM193A	4.77356	3.85704	4.53943	4.77274	4.05231
LAT	0.748422	1.10633	1.39082	1.59375	0.915685
ZNF502	1.25854	1.85696	1.39719	1.40739	1.86082
ZSWIM5	0.26713	0.142685	0.183842	0.162374	0.26856
TTC1	41.7122	38.5324	43.8894	40.4861	42.7141
SCLT1	2.38948	1.64008	2.19479	2.18956	1.99258
PROS1	10.3814	12.9812	11.8936	11.0083	14.1722
PMM2	14.5542	17.0879	23.0265	18.8289	16.4883
NUP43	10.1203	6.91608	12.0696	10.8282	8.24584
SLC46A1	5.27985	5.74144	5.75404	6.09543	5.34238
NDUFB8	258.853	241.846	256.305	248.287	261.301
MFSD2A	7.86173	9.81551	10.9628	9.27132	8.80379
ZNF286A	2.28654	1.99562	2.47681	2.23826	2.39684
HNRNPK	178.622	184.588	194.359	183.908	196.148
UBE2J1	8.25035	10.5175	10.7038	8.85904	10.8295
FBXO5	8.31012	7.61698	9.30746	8.66854	9.21003
NUFIP1	2.0501	2.88822	2.24717	2.15467	2.94782
PPM1L	0.434616	0.332141	0.292053	0.320475	0.353159
PPP1R3D	1.72523	2.09404	1.63889	1.70498	2.16258
TLE3	9.79943	8.84996	7.77243	9.70104	9.11413
PITX2	7.75193	8.26865	8.97558	8.8573	8.72189
CMC1	55.2634	46.3466	39.8446	49.8071	47.9431
CSRNP1	11.1772	6.60791	8.50105	9.97662	6.26118
LOC100130000	0.121882	0.0746103	0.0999808	0.111795	0.122002
MFN2	9.62945	9.69258	10.0393	10.3855	9.78745
GAS5	1194.53	1760.15	1338.22	1303.31	1564.56
ATP1B1	7.68153	10.6866	6.28483	7.13006	12.5886
TRIP11	1.33644	1.41906	0.50298	1.47126	1.41263
ZFP36L2	6.23008	8.29185	6.7504	6.9798	8.02291
KDSR	19.8017	20.9687	20.7597	19.8826	22.7797
OCEL1	25.0734	30.6543	20.4331	21.7928	31.4125
LAMTOR2	93.5473	103.897	79.0095	94.801	95.0329
PTDSS2	42.1144	50.1833	45.7776	43.9229	50.0871
HMG1	200.974	202.127	210.206	207.201	209.081
TTC3	2.95489	3.05257	2.45853	2.98036	3.02417
BCL11B	0.135257	0.186084	0.11377	0.199299	0.102052
BLOC1S2	13.2363	17.8036	14.5247	14.4109	17.3591
SPTLC2	5.94898	6.75792	6.36088	6.13673	7.03197
PYURF	44.3949	61.0244	69.1949	52.7874	59.8022
SUZ12	10.009	9.21802	9.93078	10.0181	9.63814
LOC100130705	0.448366	0.617123	1.28118	0.874567	0.559905
ZNRD1	88.2365	96.737	91.6847	90.3138	92.1049
BYSL	32.1358	32.3875	42.6638	35.6183	30.8893
MMEL1	2.966	2.9481	2.93357	2.83879	3.40955
E2F7	3.15081	2.8105	3.74402	3.88033	2.94954
CYSTM1	85.7112	86.0904	85.4365	87.1311	83.7297
IL37	0.120527	0.159154	0.0744455	0.10043	0.157103
TCERG1	13.2607	11.5836	9.47646	11.4123	14.3732
SNF8	81.6198	75.9144	84.6922	88.4082	71.6883
FAM177A1	4.33046	4.37254	4.55753	4.14103	4.60095
PDHA1	32.232	29.0287	28.2889	31.7508	31.9112
GRWD1	27.7744	32.3202	33.5739	29.8221	32.4384
S1PR2	6.14244	5.84823	5.48004	6.03796	6.10941
REPS1	16.1403	14.1935	16.9629	16.6592	14.8475
SMARCC1	18.2558	16.1141	20.3126	19.1022	18.3435
TBC1D2B	3.58141	3.18768	3.5897	4.00344	3.08691
CD44	72.2349	81.4949	77.1453	68.9773	87.9338
STAT6	31.8469	33.6354	32.7144	34.1194	33.8196
SLC9A1	8.36412	8.48343	9.17582	9.03664	8.93148
LOC255512	2.72047	3.4521	2.62216	2.67165	3.48379
RNF170	4.81395	5.14991	5.85124	5.20448	4.96868
PP7080	8.92917	16.0683	12.7351	11.6861	13.828
METTL21A	8.31368	8.35274	8.93048	9.26902	8.10199
EPS15	6.37581	5.24198	6.14711	5.80428	6.43187
NKD1	1.22286	1.10039	1.14729	1.29535	1.02232
ZNF574	9.89324	11.4221	10.4603	10.5902	11.7804
ZNF394	11.8897	14.231	12.809	13.2528	13.7404
SMARCA5	8.69108	7.93823	10.0567	9.64657	8.73078
SNX9	12.5464	11.9203	12.0134	12.3898	13.2383
POLD3	2.08032	2.13483	1.64631	2.22868	2.32422
E2F5	7.3243	6.68856	10.7284	7.9708	7.50114

CHCHD2	755.597	715.488	795.465	765.287	752.691
YTHDF1	15.8224	18.7276	17.4489	17.1359	17.997
ZNF512	4.15973	3.38498	5.52952	5.06674	3.9578
EEF1B2	1702.23	2808.63	1991.08	1853.65	2538.16
LRRC39	0.50699	0.554144	0.496139	0.559767	0.665518
TMEM241	2.82446	2.80261	2.70246	2.84924	2.92482
SDCCAG3	95.6597	113.962	112.18	104.694	118.038
RBM17	37.6361	33.566	35.6115	38.2183	34.8687
MED14	5.3274	4.28253	5.0467	5.26223	5.10163
LOC100144603	1.17125	1.99345	2.52156	2.34266	1.70513
SNHG15	94.2237	158.311	142.356	116.204	136.326
AK1	45.4851	58.5476	47.1239	48.8628	58.7767
CSGALNACT1	0.0834649	0.155801	0.0401064	0.0856156	0.111275
R3HDM2	8.27236	6.88227	8.5089	9.22813	6.34513
ZNF618	2.08663	2.42168	1.94762	2.31249	2.26225
FKBP3	38.5994	35.3195	32.7517	35.7652	39.9117
SLC13A3,TP53RK	6.57949	6.11624	6.43856	6.18245	7.09646
RPSA	3392.26	4721.14	3818.26	3510.18	4423.59
FAM43A	3.01085	3.94792	2.29859	2.9236	3.95167
NPR2	2.17903	1.81567	2.33675	2.57001	1.66905
PAIP2	49.4655	45.5551	46.9815	48.7071	52.1788
MSI1	18.0332	15.4193	19.7797	20.4416	15.586
TRAPPC11	6.18338	5.8059	5.60244	6.70439	6.16184
PDPK1	2.5984	2.63736	2.61031	2.76117	2.71757
DCP1B	10.5568	8.58025	10.2948	10.6601	9.05036
NIT2	62.3118	66.0888	66.0462	65.541	65.5595
GAA	56.4237	62.3188	54.0739	56.6357	65.5809
KIAA1967	39.2194	37.5061	37.211	39.8074	39.8058
SMIM15	12.249	13.5737	14.6211	13.1441	14.5708
TRIM11	18.873	18.9664	22.8858	22.6278	17.4881
ACSS2	6.28123	6.74497	6.2338	6.71472	7.03251
TM2D1	24.1061	24.9378	26.7702	25.2419	25.4262
HM13	110.263	112.821	125.625	116.649	114.934
ZNF404	2.654	3.07065	1.57181	2.78393	2.95652
GNB1	90.1055	99.8676	100.725	95.5727	102.021
ANKRD16	13.5354	12.3165	11.0462	11.8617	13.8369
MGAT1	29.3624	30.7574	32.6672	30.1976	32.3484
NCAPH	5.9302	4.4891	5.36879	6.45678	4.77236
TTC38	15.8088	18.7091	14.9676	14.4297	19.8788
UNKL	5.20876	4.01494	4.3445	5.18738	4.17074
PORCN	14.5579	19.113	13.4355	13.0336	19.4864
ACOT11	0.310441	0.286697	0.207044	0.34016	0.340375
C1GALT1C1	8.1837	8.81104	7.62063	7.4202	10.0098
FASTKD5,UBOX5	9.60046	11.2001	10.3193	9.78738	11.1694
ENKD1	2.56258	1.69511	2.16463	2.35085	1.7299
MRPL13	107.026	94.9932	105.135	108.096	102.742
NXT2	1.80571	2.00986	1.87386	1.88932	2.11004
MAK16	7.19566	7.00185	9.25604	7.82197	7.57673
LILRB3	0.0815231	0.0137422	0.0371392	0.0679179	0.0507681
TSPYL2	11.5994	16.4671	10.6706	11.9807	17.1595
AAR2	14.9632	16.9483	18.2799	16.3333	16.4796
COX7A1	0	0	0.0888765	0	0.0920236
PANK2	15.2348	13.1844	14.5692	16.7161	12.5341
DYNC112	13.011	13.0809	13.4177	13.0432	14.4973
FTSJ1	28.832	30.6009	29.887	29.8015	30.3709
RINT1	9.30664	8.40128	9.84893	9.4529	8.93507
TFCP2	2.80861	2.4291	2.95409	3.10429	2.6205
CDC5L	5.28815	5.684	5.26445	5.33245	5.99637
CANT1	20.118	22.5902	23.8038	22.6049	22.2959
MAP3K14-AS1	0.867667	0.642029	1.08107	0.522834	1.2837
NQO1	22.5387	19.446	19.5448	20.688	23.2441
AGGF1	4.25584	4.01033	4.38777	4.51346	4.51731
MRPL39	53.891	46.2306	43.872	49.3934	51.8665
TMEM115	29.9102	38.6022	38.1722	36.5419	34.1001
DDI2,RSC1A1	2.21169	1.92658	2.37369	2.25093	2.54807
COL18A1	2.69489	3.1118	2.62042	3.27818	3.03847
NCOA4	45.2864	51.5005	57.7209	48.8512	53.0268
MPHOSPH9	1.57604	1.37259	1.51625	1.96016	1.23192
ARL17A	0.360082	0.236884	0.180025	0.222866	0.268944
GPN2	21.966	23.45	27.8939	22.6243	22.8423
TBC1D22A	14.2635	13.9996	13.549	13.8245	14.8207
GLI4	30.8387	24.8201	38.3245	39.1438	27.0346
PTGES2	161.93	160.384	159.239	161.096	154.893
ATPAF1	26.3156	22.1176	26.0336	25.7759	24.9725
GRPEL1	74.6975	59.8944	62.2838	69.2052	67.9846
ANKFY1	3.92686	3.78341	4.01964	4.07122	4.2607
S100A16	856.679	847.386	756.171	806.891	879.324
SPRED3	1.75963	1.52344	1.86114	1.78079	1.74145
PTGR1	77.3205	74.6674	75.6741	74.1247	85.7782

IFRD1	13.365	11.8638	24.3857	17.1521	12.5156
PDE4C	0.172723	0.157166	0.0666307	0.11148	0.137953
GJD3	1.97708	3.36503	3.4437	2.90701	3.09138
TDRD3	4.79823	3.88505	4.83232	4.60328	4.06371
MAFK	8.48688	7.92336	9.25878	9.62095	7.58723
MFNG	0.175689	0.0710805	0.169864	0.235164	0.105423
FKBP1A,SDCBP2	113.389	125.286	128.949	121.204	129.148
RCBTB2	0.172428	0.2704	0.366076	0.333943	0.291973
TIMM17A	32.9866	35.5021	38.6176	34.4194	35.803
PLAGL2	3.84479	4.90266	4.47762	4.80625	4.56612
C8orf47	6.99241	6.84465	6.68162	5.99427	7.27089
FNTA	59.9635	48.3552	63.1102	56.5559	51.5293
TOMM5	94.1212	101.61	102.665	95.4159	96.7725
DPY19L1	2.86479	2.70283	3.05512	3.06716	2.9498
C19orf12	3.99061	4.89366	4.94664	4.55626	5.05844
BRF1	16.3113	14.8445	16.1186	17.078	14.8294
WDR37	5.1526	7.08583	4.45142	4.98594	7.2516
ATE1	1.28036	1.12214	1.33517	1.45809	1.27147
NUB1	18.4946	17.1692	19.3423	19.3812	18.0746
MGRN1	18.3951	18.3953	17.6726	19.4116	19.2829
C21orf15	0.558004	0.654069	0.138194	0.557933	0.401895
ANKRD46	3.66972	3.27019	3.46917	3.42832	3.19936
WDR82	13.9001	15.8644	16.2108	14.744	16.992
INTS4	7.00888	6.3377	8.10005	7.55086	6.78891
ANXA2P2	3.90885	4.39332	3.73952	3.65718	5.25223
GAREM	0.336241	0.258718	0.438166	0.367296	0.24842
RRP36	24.1952	28.8943	26.5142	29.0507	28.0802
VPS37A	3.65862	2.73615	3.78728	3.49342	3.11278
APEX1	184.304	189.369	204.79	192.849	186.078
NMT1	20.8444	21.1863	19.307	21.2569	21.4902
STK10	7.47941	7.14939	6.67491	7.42525	7.09501
TGFB1	96.4421	110.198	91.4109	92.084	114.616
MRPL11	35.9966	45.1873	37.2945	36.6117	44.8988
FUCA1	7.31412	7.84309	7.35143	7.55277	8.6055
LZTR1	13.1477	12.9899	11.2406	13.176	13.0838
STRADA	14.1903	12.462	13.3876	13.8336	14.2871
LRFN4	44.3023	37.8852	47.5019	46.3152	39.8781
VAMP4	2.36587	2.88594	2.60672	2.38135	2.85042
SEC14L2	8.76816	9.90633	6.7885	8.12205	9.8932
SRA1	25.9504	31.7253	31.4334	28.8877	29.8947
GPS2	37.1817	40.7296	36.3391	40.2513	37.8848
PSTK	2.42827	3.54482	2.19426	2.1124	3.95172
DHX15	35.3886	31.5455	35.8832	35.4084	34.3979
MRPL12	141.856	143.248	150.533	153.974	138.384
STXBP3	6.54571	6.56923	6.3711	6.11061	7.1183
LOC100287042	0.082816	0.220009	0.31598	0.160583	0.287025
TRIM14	9.9341	9.65816	12.5326	11.9141	9.73784
DEPDC5	1.37436	1.32855	1.41483	1.56131	1.28614
G6PD	24.6385	24.2013	21.7861	26.8578	23.4261
ZFYVE27	14.5636	14.0674	16.1522	16.676	14.5492
BZW1	61.1943	72.1335	62.4383	55.5785	80.5315
CAPZA1	75.0206	68.9129	76.7442	72.9242	78.54
KIF13A	1.21194	1.52726	1.30563	1.17497	1.48878
ZNF619	0.538517	0.64584	0.650539	0.507957	0.878151
SLC35D1	0.90264	1.24045	0.997731	0.926423	1.16942
NDUFAF7	8.21857	6.49578	8.43195	8.16759	7.34565
COX11	18.1765	20.7498	22.4432	20.2239	21.9265
RSPH3	2.15686	2.13238	1.35223	1.66158	2.36482
GYG1	30.0432	32.2962	34.854	32.8185	32.189
MT1IP	0	0	0.0216364	0	0.0224536
IRGQ	1.94613	2.18236	2.42155	2.32023	1.9868
ENAH	3.57628	3.7015	3.74313	3.54929	3.86016
CDC42BPB	9.59382	9.45867	10.0226	10.0752	9.66338
AGTRAP	74.6869	71.5633	70.4149	77.0463	65.1305
INVS	5.25431	4.53358	4.49327	5.14201	4.7801
SYPL1	40.3364	42.7337	47.2619	41.9796	47.9841
CCDC132	2.34671	2.28115	2.39506	2.56141	2.20681
TMC7	1.05823	1.14133	1.04007	1.24627	1.10238
PLEKHG5,TNFRSF25	20.7729	17.4275	14.8448	19.947	19.3516
CLDN12	13.9929	13.1412	12.4596	14.2277	12.8435
SEL1L3	9.5554	9.44996	10.6316	11.1027	9.71364
GFER	29.6472	27.1117	32.2043	31.6981	25.2135
PPP1R32	0.965771	0.793349	0.548917	0.686231	0.822634
DHX16	19.0615	17.537	17.055	20.5331	16.3223
MRPL34	78.438	87.2394	84.2324	86.0114	84.0572
SRP19	16.671	18.742	19.2246	18.3752	18.6781
CD27-AS1	4.84006	4.65666	3.08604	4.24731	4.97681
TM2D2	7.39031	9.3216	8.07834	7.40469	9.76637
PITRM1-AS1	0.363905	0.450484	0.343728	0.437179	0.421704

PAPSS1	14.7507	16.0816	14.708	14.3407	18.3634
LRRRC29	0.844715	0.890288	1.18065	0.904634	0.64317
CNOT6	5.07441	4.41862	5.33544	5.21674	4.92439
METTL25	0.663019	0.659751	0.519583	0.613356	0.657051
KANSL1	6.55447	6.01769	6.41649	7.27175	5.84322
RAB4A,SPHAR	8.11406	9.87728	9.68627	8.77191	10.1886
PITPNB	16.9576	16.4381	20.0499	18.233	16.9849
HIGD1A	13.0863	14.3534	15.4246	14.248	15.1052
GPT2	18.1404	16.1766	28.322	23.4244	17.886
UACA	1.30053	1.23921	0.827154	1.35916	1.35289
HES6	123.143	123.428	164.675	158.257	109.553
ACVR1C	0	0.0150788	0.012777	0.00823038	0.0072445
SRRT	46.1377	41.1238	44.3715	48.9157	42.2024
WBSCR27	13.0807	9.71169	14.8132	13.0878	11.2466
LOC100132832	0.564382	0.685993	0.832462	0.888607	0.645526
SS18	12.9214	12.8342	15.3841	14.1562	13.9917
PRDM16	1.49912	1.50553	1.45372	1.48617	1.58003
CYP2E1	2.58256	2.93485	1.33175	2.63968	2.93262
GAS2L3	0.32052	0.390264	0.289204	0.282551	0.396146
KIAA1586	2.61384	2.90619	2.85671	2.44113	3.71402
LNSTRN	22.2845	19.1872	24.291	24.2404	17.7496
LMBR1	7.78324	7.68652	8.84707	8.42096	8.36787
RPA1	15.0325	13.5301	14.0181	15.3383	14.496
C11orf48	46.2656	51.904	49.7985	48.618	48.7497
PTMS	182.799	225.93	217.197	211.72	218.469
FAM84B	3.19438	4.87889	8.24898	5.56139	4.73009
ZCCHC4	2.79248	1.67283	2.64672	2.98655	1.95828
TRMT44	4.29412	4.30344	4.4191	4.69562	4.35252
TRIM4	8.6574	8.85526	9.81576	9.46258	8.70956
FADS3	64.5116	53.9417	74.8872	66.6812	54.9317
BLOC1S4	22.0371	23.9588	26.64	24.7497	24.5733
AP3B1	5.97115	5.69985	5.74192	6.18334	5.87028
RQCD1	17.3287	16.4905	18.0208	17.3219	18.6616
SUMF1	7.02698	8.80711	7.70747	7.69307	8.52494
MCM3AP	8.59277	7.99442	8.4522	9.1348	8.6115
SAP18	42.0003	43.1509	39.417	42.1617	42.7721
SMS	211.834	203.179	173.233	183.438	223.222
EXD3	3.44791	2.82664	1.98813	2.69918	3.51979
ANKRD52	5.4567	5.09566	5.34982	6.01039	5.09077
SLIRP	285.82	270.929	299.718	291.013	251.201
ADCY3	15.4484	16.1784	17.068	17.7928	15.5022
ATP1A1	71.3471	82.6308	74.374	76.8492	81.5055
TMEM242	3.28476	3.44678	3.41095	3.23646	3.93374
FOXK2	18.2744	15.9353	20.518	20.8047	14.946
TMEM18	15.6204	18.526	16.6305	16.0237	19.1391
CCDC82	2.15429	1.56162	2.35613	2.49089	1.7731
TMEM14B	75.3099	95.0388	80.4712	77.1498	98.2441
NCOA7	2.74392	2.63439	4.75254	3.71338	2.84358
ZNF518A	1.29133	1.51868	0.992483	1.31677	1.61302
GIPC1	124.209	120.824	145.901	134.57	120.62
OTUD5	22.6816	23.2464	22.5897	23.6559	23.4259
SAE1	60.6883	60.3278	71.0712	70.3564	61.6957
GATA6	2.72414	3.29662	2.71343	2.96756	3.38996
MX11	13.7273	13.9772	9.12279	11.5546	15.533
BAMBI	4.769	7.83845	4.19321	4.59333	7.64884
PSMD4	158.08	154.725	170.234	165.162	154.404
VWA1	5.26418	5.07946	4.25645	4.76688	5.87389
KIAA0513	0.933657	0.690019	0.564724	0.91953	0.696349
ZNF268	1.40334	1.80686	1.72123	1.75618	1.66428
CHD7	2.05417	1.5751	1.80814	2.22507	1.6786
SUB1	25.4105	26.6981	27.444	26.5244	27.109
RNF19B	9.73124	9.8619	12.1147	9.8701	10.0794
ZNF273	1.31681	1.07913	1.02719	1.20512	1.27099
PRDM2	2.11584	2.27808	2.23971	2.35455	2.13917
IFNAR2	7.61394	9.60957	7.07282	7.68376	9.65419
POLR3A	4.93708	4.82904	4.89378	5.34055	4.70281
SMTN	98.396	84.1587	79.8599	93.5468	91.7716
KRR1	15.2383	16.0962	18.1492	17.2458	17.9835
ACN9	10.2342	11.3159	12.079	10.6238	12.4928
KIAA0355	1.5243	1.31162	1.06106	1.48055	1.27166
CD9	250.241	236.359	292.066	260.157	244.153
PTPLA	4.09249	3.56736	5.64668	5.69138	3.31483
OSR2	7.43146	12.3221	7.97148	8.28921	12.794
PKD1	4.95176	4.64094	4.70008	5.5338	4.97186
SLC26A4	0.0590529	0.066919	0.0808552	0.0910956	0.0827645
NHP2	223.774	244.283	214.965	230.899	237.911
HIPK2	1.83177	1.71521	1.68971	1.93454	1.8359
PMPCB	24.8374	24.3774	30.9613	27.6844	26.0016
SAMM50	19.3126	23.0796	22.4459	22.3543	23.7674

MMP11	7.47498	8.33409	7.43257	6.93644	9.94018
DGUOK	59.4364	56.9498	57.1535	57.7717	55.9225
UPF2	4.44031	4.03089	5.57165	4.85682	4.18795
DIAPH2	5.00068	5.11445	4.90052	4.86744	5.94546
LOX	1.16085	1.31994	0.954491	1.27624	1.2803
CCDC73	3.5361	3.52216	4.20497	3.6982	3.25056
FAM227B	0.50285	0.63067	0.532459	0.58876	0.52539
ARL6IP1	57.0487	65.2006	71.8338	60.5141	68.2997
IQCG	8.68583	10.6871	10.0337	9.22276	11.3618
CDKN1A	67.3675	69.9388	79.2908	77.9639	66.2118
GEMIN4	16.5127	20.9043	18.7622	18.7388	21.7896
GPSM1	56.3543	50.7526	49.4427	57.0672	52.8813
TPST1	2.14162	2.1863	2.7972	2.50103	2.40865
NEK7	3.44556	2.44173	3.26563	3.23465	2.82803
KATNA1	11.4779	10.2415	12.9542	12.1619	10.6425
PAXBP1	12.9814	10.4137	10.5527	12.57	11.4079
CDC16	24.631	26.6253	27.7084	26.94	26.6625
SLC25A46	5.68535	5.36601	5.77032	5.36422	5.80387
AHSA1	154.311	140.478	151.967	155.425	145.873
POLG2	7.06887	4.72042	5.50343	6.38555	5.02465
CACNG7	0.908967	1.13872	0.293436	0.645006	1.32011
SMIM12	4.22466	5.76017	5.53785	4.92205	5.59439
NPEPPS	15.7219	16.1988	15.2468	15.1948	17.8738
HNRPLL	7.86808	7.2099	7.91285	7.6463	8.23825
UHRF1BP1	2.66191	2.36085	4.09922	3.58961	2.32305
ZFP30	0.955438	0.890772	1.45049	1.36043	1.00098
DHX58	0.0394089	0.0346215	0.0156353	0	0.0477384
ITGB1	334.553	268.268	340.401	328.72	303.619
PYGO2	9.75075	11.3675	10.2686	11.4539	10.3874
C17orf103	4.20708	4.28466	4.71228	5.36267	3.85137
CCNH	28.0079	27.2038	27.2096	28.3972	26.7333
ZNF644	7.0478	6.0015	7.28765	7.13405	7.25289
FOSL1	373.128	273.93	386.01	399.323	249.9
MGC27345	1.67932	2.08153	1.92756	1.97419	2.18808
USO1	9.88782	8.93226	9.49822	9.71334	10.2638
POMGNT1	27.6929	32.8478	28.2653	28.9705	33.8205
ZNF575	1.09778	0.677201	1.01978	0.910916	1.2142
NSUN5P2	8.16955	6.86169	6.56197	8.35855	6.84959
FAM131B	4.44542	5.95289	5.33882	5.07578	6.28871
PQLC3	7.58926	10	7.4552	7.14253	10.4571
TM7SF2,VPS51	59.9902	66.8954	57.9476	53.0569	69.8979
SERBP1	38.6728	38.5655	40.263	39.3141	42.5782
ZNF593	125.471	139.532	151.498	139.711	126.684
PDAP1	96.4981	96.0268	96.1033	105.37	95.8096
HSD11B2	7.70386	11.4859	7.2341	8.46613	10.5495
POLDIP2	46.6465	56.9165	54.6981	52.5995	53.9863
KIAA1279	5.91332	5.53551	6.92884	6.92751	5.65766
PER3	0.21444	0.304107	0.206335	0.295727	0.215884
RPS23	389.022	523.519	450.295	418.911	476.363
MEAF6	12.3821	12.4464	10.2794	11.3853	13.7909
WBSR16	36.2296	35.2688	31.6086	35.7452	37.9722
SLC25A5	470.831	448.277	521.455	497.213	442.793
MSRB3	0.565215	0.444911	0.434425	0.484925	0.602378
C19orf43	253.962	268.214	298.044	285.555	277.934
INTS7	3.41116	2.47989	4.22567	4.0385	2.5298
PIP4K2C	9.50848	11.2257	9.79995	10.7875	10.776
PRR22	9.32539	5.91639	13.0682	12.2971	7.12578
GINS3	4.22896	5.25367	6.15052	5.92274	5.12029
LRRC8A	11.2696	14.1311	12.0805	12.6253	13.7458
POLR2D	10.4191	12.2586	11.2821	10.6667	13.0771
MMP24	4.37254	5.41046	4.38993	3.98432	6.1391
ZFYVE26	1.67306	1.8547	1.45638	1.92924	1.67204
HNRNPD	124.264	111.192	130.319	138.5	117.016
TTC9B	1.33341	1.39342	2.15253	2.07105	1.57551
RANGAP1	96.9501	86.1955	105.451	108.29	81.1202
AIDA	20.4426	22.1317	21.2406	20.8718	24.9438
DOHH	15.8228	15.1804	19.5013	18.7401	14.8237
TAF1D	33.9329	36.7091	34.8244	35.046	35.5563
IL13RA1	6.14438	7.85238	7.17479	7.00149	7.95929
ZSWIM8	5.37043	5.28653	4.40495	5.8933	4.91502
C2orf42	2.33562	2.24333	2.47438	2.36478	2.24863
PPP4R2	4.36443	3.84998	3.97269	3.87352	4.87478
PPT1	38.926	46.3472	44.2762	45.4109	45.3305
WDR11	4.06521	3.75789	4.0412	4.34578	4.11966
USP3	9.64076	8.81747	10.0273	9.9092	10.1262
ARHGAP27	2.8824	3.52268	3.9228	3.56078	2.41919
NAGS	6.27891	6.46937	5.71029	5.24976	7.34471
PPWD1	10.5667	8.60019	9.16003	10.6238	9.26677
ZNF19	0.650168	0.685415	0.954089	0.835115	0.465422

SPATS2L	7.64347	7.37809	9.32087	8.44786	8.1089
C11orf58	21.9473	24.6293	26.8667	23.5388	25.8087
CCDC71	12.911	19.1258	13.2434	14.0325	18.7142
GOLGA6L9	0.326663	0.254083	0.140654	0.352899	0.180865
FBXO3	6.62457	6.02125	7.17435	6.59129	6.66613
NYAP1	2.77915	1.99907	1.77979	1.98869	2.54818
STK3	5.99012	5.55152	5.70392	5.6812	6.20508
LINC00667	2.58044	3.30312	3.58885	3.13692	3.4295
ALMS1P	0.0296711	0.0204471	0	0	0
AKD1	0.520167	0.582799	0.70507	0.527159	0.750577
DNAJB6	64.5703	67.5241	76.4709	72.6893	71.2657
SIN3B	9.81763	8.73611	8.9329	10.273	8.9613
CENPL	3.31956	3.42842	4.56033	3.842	3.38541
G3BP2	13.2214	15.7252	14.535	13.0555	17.8015
TMEM189, TMEM189-UBE2V1, UBE	77.9888	73.483	85.0553	84.6981	74.6252
UCK1	38.9102	43.4181	45.3328	45.4367	40.2023
GPR19	0.258673	0.304847	0.30399	0.48153	0.202115
FILIP1L	3.38602	2.52269	3.06742	3.26652	2.56536
MRPL32	68.2353	53.8356	64.738	66.9746	57.4144
ZFAND1	36.8403	39.8964	55.3212	44.9913	42.1412
RIC8A	70.1168	62.4019	68.0549	70.1261	64.1644
ROGDI	9.74113	10.9158	8.27328	10.9431	10.6996
B3GALNT1	5.54408	5.68989	6.81257	6.34613	5.58375
TERF1	11.2767	11.425	13.3738	13.5388	11.3275
GRHPR	106.13	120.424	113.09	112.045	114.213
TM9SF2	13.5595	14.019	16.0921	14.3994	15.821
NAV1	1.53776	1.64526	1.15653	1.48108	1.66045
CERS6-AS1	5.76258	6.02914	5.97641	5.85189	6.99163
HDLBP	29.4031	31.2033	30.1496	31.1566	31.2566
TMPO	26.7034	25.5418	27.1585	29.5858	27.8522
HECTD3	10.5413	10.259	10.1594	12.0577	9.81733
AZIN1	25.6436	24.9458	32.0892	27.4087	26.6968
CD46	8.63323	9.57159	8.1781	8.36487	10.9308
MANEA	1.40114	1.55022	1.22811	1.40648	1.6391
ERI1	6.5307	6.29501	6.08327	6.89584	6.41307
ZFYVE9	2.75695	2.54033	3.08783	3.2198	2.83117
NAIP	0.62002	0.59261	0.598991	0.872509	0.502525
NT5C3B	48.7882	53.152	57.6852	51.881	53.1123
SLC25A32	13.7064	14.4987	19.152	15.6225	15.4413
ANP32A	50.0231	45.7827	51.3091	55.4859	49.4897
WRNIP1	36.869	31.3284	37.2319	37.9052	33.6908
ANXA4	18.3954	20.9497	19.3635	18.3087	21.6308
TMEM161B	4.1561	3.82393	5.1531	4.56663	4.39566
MRRF	41.716	38.1482	47.0618	45.2394	37.5808
AP5Z1	10.0228	11.1098	10.9684	11.7108	10.3725
ZNF486	1.78169	1.17357	1.89159	1.65607	1.49784
ADCY9	1.49488	1.39642	1.3182	1.4383	1.56661
LOC100630918	1.304	2.56753	1.71037	1.53997	2.45803
WDR70	9.52351	7.99403	9.3256	9.62408	7.99325
ZNF443	1.65869	1.42754	1.61632	1.77146	1.51656
TEX22	0.25112	0.318814	0.25394	0.375593	0.13724
CDK5RAP3	32.5593	36.0914	27.9098	37.2471	33.8853
NSMAF	17.2929	16.6199	18.6285	17.3186	18.052
ZNF416	3.00961	4.46055	3.71628	3.7202	4.37377
TFDP2	2.97971	3.30116	3.04667	2.6695	3.77019
PRPS1	23.5693	25.4164	23.5814	25.0259	24.2941
RNF115	6.66321	6.74335	7.71844	7.27497	6.4195
MCF2L2	0.144794	0.145853	0.121238	0.143596	0.152661
ACP5	0.0694131	0.250676	0.140085	0.115905	0.201453
FH	53.0142	44.8232	51.3643	54.4079	49.4775
LINC00339	9.79075	12.3202	11.2953	12.1491	11.583
STIP1	145.48	135.922	134.707	153.476	136.389
FAM189B	67.4862	58.6186	55.3624	62.4932	64.0721
RAB7L1	7.46347	7.81737	9.04849	7.92649	8.86092
GUSBP4	0.56259	0.535269	0.420356	0.288047	0.385153
H6PD	2.99849	3.89844	3.12213	3.11255	4.04388
HARBI1	1.21403	1.48417	1.56526	1.46787	1.27901
TMM22	19.1887	26.8796	21.9589	22.0402	24.7581
ERP29	87.6882	92.1127	113.814	109.794	84.2036
LARP4B	10.1735	7.67933	9.68638	10.3408	8.1458
EVA1C	8.13219	9.5644	8.38319	9.35242	8.63045
SUCLA2	8.1114	7.11877	6.97679	7.60038	8.24008
LOC92249	4.38315	5.21098	4.93792	4.83904	5.28327
WDR13	34.2232	32.5549	34.2528	34.6658	34.0644
SLC35C2	27.6884	26.3579	33.9798	30.6412	28.9683
PRAME	15.7134	15.3662	13.7166	15.5849	17.1893
SHF	5.18881	5.5612	4.88848	5.6745	5.14855
CEP104	3.78349	2.69614	3.33616	3.60657	3.3801
LTA4H	78.622	107.369	90.3373	80.5432	113.228

CLASP2	2.3465	2.05348	2.38166	2.39371	2.16962
SEPSECS	0.844418	0.888162	1.21955	1.2444	0.85886
PET112	13.8908	14.0779	13.9947	15.287	13.9702
SENP5	4.169	3.25388	4.4407	4.80524	3.23237
CAND1	16.6077	15.0931	16.7176	16.3009	17.6982
RANBP1	158.352	156.093	139.118	173.872	150.408
C12orf10	40.1036	35.5008	47.9513	40.3243	39.7583
AQR	4.37744	3.56805	4.76948	4.25014	4.20574
CLP1	7.99665	12.5516	10.0128	8.33876	12.2514
GOLT1B	7.46689	8.28789	9.2863	8.06148	9.05643
TRIM41	11.1163	10.7939	9.82057	12.9872	10.2808
SMIM13	2.08799	2.18556	3.15049	2.61912	2.29367
CDX2	10.8031	13.8652	11.7769	10.9214	14.7904
CHUK	2.89507	3.16053	3.06827	3.01883	3.1672
PRR14L	1.96665	1.38914	1.80067	1.9703	1.62933
FLNA	95.5916	63.0308	90.5694	99.0337	57.0148
EIF3G	301.359	308.581	317.476	318.683	295.827
TAK2	10.738	10.5787	11.8873	12.2091	11.1126
ZNF555	0.497809	0.508149	0.514765	0.475816	0.620408
ZBTB7A	8.24727	8.05008	8.5978	9.28203	7.87471
PTPN7	24.8034	23.1108	27.9957	27.6869	22.5574
LOC100507564	0.104617	0.0733527	0.385667	0.217399	0.137648
TIMM21	15.057	14.4092	15.9535	15.1921	15.9446
ZSCAN22	1.34929	1.03366	1.42552	1.32572	1.20618
KTN1	15.591	17.117	9.73366	15.099	18.9885
CALM2	240.377	260.746	282.406	259.359	269.303
ZMIZ2	13.015	14.5867	11.5902	13.3419	15.0065
EFHA1	13.4073	11.6187	12.9505	13.1165	14.1144
TFE3	29.0247	27.5689	28.2284	30.0972	27.7085
ZBTB45	12.1052	10.6742	11.7747	10.7157	12.5733
GEMIN8	8.37204	7.11358	7.61725	8.61558	6.74553
FANCD2	3.01039	2.22894	2.84278	3.26652	2.32719
ZNF767	2.80517	1.93837	3.23143	3.84059	1.63975
SF1	77.1619	72.875	84.9242	84.4827	75.3689
TCEAL4	48.8654	48.0554	48.9595	51.0413	52.622
TERF2	11.3753	10.3256	11.4598	11.7342	10.9005
TACC2	8.87956	6.73512	8.9739	9.26605	7.45866
EEF1D	1206.72	1492.71	1233.68	1324.72	1288.1
TBC1D8	1.74174	2.28445	2.12434	2.40247	2.20974
HSPA12A	1.55332	1.44099	1.60789	1.72569	1.61188
KANSL2	7.68127	13.115	10.7233	8.90239	12.8007
ENOX2	1.31925	0.991738	1.3831	1.45722	0.860794
SYNGAP1	3.905	4.54551	2.89785	4.62143	4.53977
GRAMD1A	83.6871	71.8418	79.0744	83.9087	70.4601
RPL12	8398.66	10601.7	9245.09	8747.58	9800
CAMLG	46.7928	50.1813	58.7498	52.156	48.4192
DGKH	0.376672	0.206586	0.293371	0.260385	0.251784
ASCC3	3.36938	3.96719	3.1386	3.08337	4.49177
ZBTB33	3.88761	3.21477	4.49195	4.05518	3.52409
ERICH1	11.2124	10.4062	8.59412	11.2684	10.9079
BCL9L	6.39381	5.81175	4.86845	6.6925	5.18196
NAA30	3.92573	2.8562	3.9811	3.57686	3.76831
PNPLA2	65.3364	70.4027	67.9254	73.0836	72.0771
AFG3L2	35.0539	33.2027	35.2427	35.8231	36.1979
LOC282997	1.98595	1.91824	2.29847	2.08029	2.08961
B3GALT6	8.9506	10.9596	17.8893	12.8848	11.2975
EXOSC6	26.0372	30.5841	25.7033	30.0338	28.2961
FBXO36	0.646444	0.749104	0.399221	0.687115	0.617654
IDH3B	46.2044	44.9747	45.8443	47.5362	47.5911
CETN3	21.4371	18.3996	20.696	21.876	21.0434
ACAT1	48.0433	51.8266	49.156	47.2001	55.9078
PSMC5	80.8189	87.1384	85.0627	88.2421	81.4411
HMMR	1.83352	1.484	1.8938	1.93568	1.39544
TRAPPC13	4.8536	5.10416	6.08645	5.63687	5.60229
FKBP11	136.758	160.766	143.407	138.198	154.106
PIGF	20.7682	19.4628	21.1897	21.9822	20.0826
MAP3K12	6.83342	7.38548	7.21009	7.37952	7.74483
SYNE4	0.267026	0.0646876	0.145557	0.161902	0.2082
SMPD4	19.42	19.3496	21.402	21.4144	20.7092
DHODH	6.66119	6.3035	6.89773	6.34903	7.60015
LOC100127983	0.223748	0.0731435	0.186571	0.206511	0.208709
OBSL1	14.9986	15.3105	11.0088	15.4909	15.1581
LRP8	3.13661	2.13587	2.82043	3.14725	2.26108
ZFX	1.94894	2.22873	2.16344	2.29841	2.34011
ITGA9	0	0	0.0082704	0	0.00864909
YRDC	22.64	25.1938	28.0836	25.3698	26.3322
H2AFY	73.6234	63.6707	73.0357	79.7257	66.4332
YIPF5	6.69512	6.67952	7.19772	6.27256	7.36696
PRKAR1B	17.6392	17.0471	20.8158	19.8061	16.0132

APBA3	12.2023	12.2088	11.1615	11.7245	12.3386
ATP5G1	175.766	197.145	140.525	173.441	193.084
FBXO2	1.86825	1.9194	2.16099	1.75141	1.90079
ARL2BP	27.5333	38.5851	32.7087	29.2316	41.6248
SPC25	15.3	13.5877	15.011	18.609	13.248
TRAPPC3	51.3299	65.6758	63.092	58.6438	61.8062
LOC100506710	6.25958	6.82768	7.36686	6.26706	7.96841
RAB7A	99.9242	95.0369	101.758	103.751	98.6453
CC2D2A	3.07185	2.97471	3.75965	3.06369	3.01492
CSNK1D	40.1838	40.2876	40.5771	41.6909	41.9273
DNPH1	181.643	188.732	176.607	175.354	195.294
RAB3IP	3.46284	2.92716	3.52977	3.90341	3.189
TMEM185B	8.99185	10.4456	12.2894	11.0261	10.0707
HIF1A	2.00224	1.96933	2.23947	2.16136	2.56213
WNK4	1.99219	0.979717	1.13766	2.03909	0.990739
HEATR1	6.52069	5.23692	6.00049	6.07795	5.73643
UBAP2L	23.7291	21.1541	23.3225	24.0635	23.5087
DDX21	20.0383	19.5062	29.4714	25.0921	19.434
BRD1	5.89052	5.61154	6.03224	6.7436	5.86249
FAM108B1	3.82718	4.0749	4.84406	3.81952	4.9304
VPS25	85.4067	88.5432	68.6474	81.6998	92.787
YWHAH	51.0773	54.7369	67.2386	56.6791	57.8317
ATAD3C	0.171122	0.109838	0.164222	0.18066	0.0785509
NAA10	122.896	134.706	134.286	132.643	129.767
MRTO4	38.4846	45.2456	45.3001	41.9727	44.9492
SMAD5	3.90875	2.94314	4.14519	3.80076	3.43712
LRRFIP1	11.9242	8.5838	12.7967	13.0926	9.1061
DNAJC8	81.1114	86.5683	79.0331	84.8388	88.6085
FBXO22-AS1	52.129	44.9186	42.9407	45.0086	44.2008
KRBOX4	4.27991	3.71107	4.06509	3.7528	4.22536
PDCL	4.22845	4.49253	3.93987	4.02883	5.04001
INTU	1.24018	1.13359	0.431086	0.950439	1.37821
SLC35F2	19.4791	19.5554	23.2748	21.4972	20.3596
RPL7	5734.1	7741.77	6517.71	6237.4	7129.46
PLD6	11.7811	13.0971	14.4648	12.92	13.7869
STAMPB	6.13764	5.21833	6.07133	5.50074	6.58005
UTP18	37.5629	32.2008	41.034	39.2096	34.5578
DCAKD	16.2386	14.7528	16.9683	17.4679	13.9026
POLQ	0.757625	0.532074	0.656845	0.779633	0.69884
DUSP11	15.4151	16.8376	18.577	16.6249	18.5962
GAS5-AS1	0.822207	0.559865	0.846734	0.899227	0.525983
KLHL17	20.5286	18.5534	13.7124	19.9981	19.3503
MORC2	4.8894	4.37285	4.15182	5.2184	4.12213
ZNF333	1.1319	1.08886	0.751141	0.982534	1.06207
OGFR	41.5272	40.8125	32.3374	39.5895	40.8575
RMI1	1.90881	1.66958	2.16363	2.03692	1.81238
ASTE1	1.70446	2.10024	2.12729	2.03111	2.10241
KHDRBS1	88.904	76.97	97.3748	96.9766	78.0881
ATOX1	118.616	118.672	104.95	115.449	116.656
ZNF24	4.83499	5.0899	6.12653	5.46254	5.37915
MT1E	1624.78	1475.78	1639.92	1960.49	1160.7
ATAD2B	0.414222	0.341022	0.40421	0.390242	0.412096
BPNT1	8.67008	8.46697	9.48595	7.88303	9.09156
IMMP1L	3.98005	3.70755	5.47663	5.52863	2.93922
CLPX	11.3046	10.6982	10.19	9.90835	12.896
ELOF1	93.9267	103.708	103.406	107.38	94.5255
ZNF681	0.473298	0.469103	0.389619	0.482443	0.452569
PRMT1	267.817	277.601	287.242	283.87	279.705
AZI1	10.6904	10.3813	9.90592	12.0347	10.1766
ZBTB9	5.07112	7.52628	6.79324	6.83397	7.02778
NFKB2	45.7196	35.2611	44.4965	45.7881	37.3525
SSBP4	65.0953	59.4827	66.1392	69.8927	64.5645
PAIP1	32.1385	33.3433	34.4532	32.0998	36.1987
NACA	1075.11	1238.71	1145.47	1151.6	1176.07
MED23	2.11545	1.99221	1.76986	1.88805	2.37773
EBAG9	14.3302	15.3868	19.453	15.8564	17.8085
INTS8	15.6303	14.3207	14.0081	14.6283	16.1711
MTRNR2L3	0.0330334	0.145	0.104891	0.137796	0.068522
DOLK	12.0062	21.0575	17.1889	15.2226	19.0933
ERCC6L	1.91708	1.706	1.88028	1.84741	2.00013
MFAP3	2.60092	2.4529	3.10723	2.85326	2.70459
ARL14EP	5.16254	5.29866	5.83865	5.52931	5.71994
MEN1	33.5295	32.7068	33.2943	35.4406	34.9769
NPTN	19.48	16.6944	22.6355	21.1488	18.5061
USP11	10.5305	10.8952	12.3613	11.9826	11.835
FAM161A	1.1698	1.02215	0.985293	1.34908	0.93747
DYRK4	10.7834	13.7011	10.9785	12.1336	12.6787
ATAD2	12.0992	9.06014	12.2182	14.0246	9.92544
PSMA4	103.642	99.9944	100.257	104.818	109.946

PRRT3	1.1525	1.40233	1.22563	1.41668	1.34159
MIB1	2.37539	1.88247	1.99623	2.18355	2.06816
BCAP31	223.607	232.874	219.188	224.087	235.356
AMD1	14.203	18.9598	21.923	16.891	20.1445
GPAA1	127.271	132.208	125.405	144.285	128.473
ARSB	0.746217	0.673679	0.699063	0.624563	0.88361
PARG	3.80395	3.33503	4.34129	4.19993	3.65875
ANKRD54	14.3469	13.9185	13.3184	16.2177	13.3677
NPLOC4	19.6182	20.6841	19.9383	21.1632	21.0472
CPPED1	1.32816	1.34906	1.22306	1.14108	1.61752
OXCT1	23.5136	15.835	21.0609	23.5818	19.327
WDR85	29.3873	33.6278	38.0706	34.3709	32.2186
CYP2U1	1.53015	1.57437	2.17816	1.59007	1.97746
SPTBN2	14.3273	12.4187	12.0866	14.4151	13.0322
SHANK2	0.63126	0.624958	0.531164	0.557371	0.64298
NAPB	1.97966	1.74624	1.85007	2.20078	1.70539
MCM6	14.9402	16.2527	16.6327	16.9213	18.8924
TMCO6	9.78724	9.74437	9.26171	10.2096	9.33081
SLK	4.23513	4.25486	3.43194	3.69072	4.81704
LOC440354,LOC595101	1.85057	1.97936	1.99698	2.06139	2.03282
FARS2	7.9945	8.64267	7.60812	8.47632	9.21967
TRAPPC8	2.12947	1.97598	2.10287	2.23012	2.17549
TM9SF3	22.4256	23.3815	25.4102	24.0954	24.6793
LBR	10.0697	8.51247	13.197	12.4076	9.05185
LTBP3	8.40231	8.89332	8.33361	9.41035	8.742
SLC39A6	18.0818	18.207	21.2778	19.4091	19.4722
DEF6	20.9988	19.7456	18.827	21.2692	19.0822
GLOD4	34.322	31.5425	34.1587	33.906	35.2728
DCXR	209.131	274.409	176.738	209.468	225.911
GON4L	1.91296	2.45618	1.77006	2.19759	2.28264
PHF20L1	2.98555	3.3986	3.50611	3.47533	3.49282
PGAM5	38.5114	38.4458	44.284	43.4859	38.9667
CPSF2	6.44327	6.36238	6.7001	6.73942	6.98712
CAPN8	0	0.057467	0	0	0.0355338
SGTB	2.38704	2.02769	2.77871	2.43333	2.21935
FBXO22	7.40485	6.91555	7.49011	7.50277	8.00104
PHB	154.273	162.696	159.617	160.127	170.857
SURF6	59.7967	56.5421	62.1371	65.2505	57.6157
PTDSS1	83.172	83.03	101.649	93.152	85.7796
PDLIM5	3.00909	2.98004	2.9182	3.00049	3.17593
ZNF233	0.34075	0.555982	0.345452	0.552333	0.419861
SPATA5	0.814372	0.457477	0.849905	0.887513	0.585809
NELFE	69.5339	74.816	77.124	78.6723	69.3578
IQCH	0.602346	0.980882	0.757411	0.640979	0.808923
ADPRM	5.91628	5.82996	6.81883	5.38205	6.16151
ZNF234	0.958179	0.7589	1.14346	0.981174	0.881946
TEX261	22.8969	26.7677	29.9793	26.241	28.9067
TTC8	4.96499	5.712	5.36973	5.61134	5.80699
ZSCAN21	1.04662	1.59352	1.67728	1.63358	1.63525
CUEDC2	90.0963	97.3789	77.5291	95.4588	87.5903
TTPA	0.257488	0.357082	0.270376	0.261813	0.301047
RBM10	37.0576	32.1377	37.8745	39.089	32.7874
YLP1	3.04477	2.81851	2.97475	3.37242	2.87983
GAL	126.966	140.519	131.812	145.906	126.71
SKP1	96.7639	113.745	103.918	98.4321	121.621
SOX13	4.38948	4.68754	4.08713	4.7302	5.04416
FAM160B2	19.4732	19.715	16.8023	19.6189	20.1252
GRPEL2	6.74154	6.58788	12.9587	8.78925	7.70688
CSNK1G3	5.85066	6.03824	6.27327	6.52843	6.17937
INTS5	9.9461	12.2508	13.4428	11.6721	12.9511
CNNM1	0	0	0.00612729	0	0.0064305
RCC1	91.4855	102.235	111.032	101.21	105.129
LUZP1	3.06954	3.54228	3.50622	3.3775	3.77976
ABHD11	16.8767	20.9515	15.1413	20.1449	19.5121
DDA1	9.27088	10.6825	11.741	10.8521	10.6729
PARP1	27.216	25.7513	24.738	29.0545	27.4053
YDJC	101.961	94.7367	134.073	117.826	96.7649
BECN1	16.1613	21.7836	19.292	19.8469	19.3297
COPZ1	90.0371	90.8087	98.2238	96.3817	95.0883
LOC401397	63.9388	65.1426	81.9733	72.5516	65.8182
FAM204A	10.3806	11.8432	10.7949	11.4704	11.7233
NEURL1B	0.366583	0.42914	0.338418	0.46852	0.339828
HIST1H4J	0.842317	1.0944	1.22818	0.347983	1.53688
CUL2	7.93696	8.08247	8.43955	8.47683	8.81049
MRPS35	32.5998	33.2841	38.1826	36.5414	34.8945
SPRED1	3.6727	3.04119	3.63275	3.55258	3.46757
MOSPD1	2.10146	2.87987	3.53799	2.67308	2.75444
XPO5	17.1656	15.4517	19.6277	19.3489	15.9866
ISG15	113.354	114.706	91.9445	104.389	110.232

SUMO1	58.1289	59.1217	68.2525	64.1952	64.5749
CSAD	2.50775	2.76607	1.81068	3.09444	2.25952
SH3RF1	1.84429	1.35777	2.31119	2.06611	1.48441
MAP4K5	10.0327	9.39577	7.96296	9.63694	10.6819
RAB11FIP1	4.59299	5.1452	3.87271	4.47734	5.84169
PTPN14	1.94363	1.56378	1.57693	1.81223	1.67201
AHCYL1	22.6426	22.8764	23.9272	25.1016	23.8284
EP300	1.13264	1.369	1.30324	1.25457	1.54024
SLCO1B3	8.60247	8.17641	8.40417	7.63597	9.27505
TTC39A	5.09057	4.06765	5.33092	5.24002	4.5665
NUFIP2	4.33644	4.41949	4.68311	4.58732	4.54207
ANAPC5	44.205	49.0929	43.3739	46.1316	50.7305
ASB1	25.9456	28.2608	33.6055	29.8554	29.3348
SNORA53	2.06996	2.24944	0.947006	0.421053	3.26175
ECD	10.5592	9.24693	12.7866	11.8119	9.4248
ACAP3	6.70438	7.50061	5.82394	7.19999	7.70875
SNX4	4.72346	4.92459	4.76388	5.13877	4.98632
RCN3	4.84875	4.96063	1.87862	3.32297	6.05947
RHEBL1	8.80929	9.86891	11.5011	11.186	9.47721
RASGRP2	0.664918	0.878641	0.467261	0.709951	0.566087
NPDC1	256.225	270.929	246.496	270.19	260.481
DGCR14	4.58171	4.6358	4.62259	5.05587	4.70898
MLH3	1.31573	1.00856	1.44388	1.5126	1.07572
ZNF343	2.8171	2.67562	3.06181	3.10662	2.62999
NLN	3.35947	3.49545	3.10973	3.11142	4.11403
MCIN	2.0715	1.62502	1.67392	2.12404	1.54264
TMEM106B	3.11462	3.61859	3.53473	3.35531	3.97076
ZNF85	2.26873	1.3838	1.27582	2.08142	1.74885
SFXN5	0.608125	0.70903	0.89562	0.723783	0.961136
ANXA5	233.11	256.687	263.317	246.733	275.996
ZNF146	14.2273	14.7209	16.3876	14.0149	17.673
THBS4	0.374747	0.338003	0.174558	0.279623	0.412176
TMEM237	3.30011	3.72133	3.61788	3.32647	4.13958
PLEKHB2	35.4036	33.3914	35.5885	35.4983	35.5327
BLZF1	0.848835	0.790146	1.44613	1.09893	1.0088
ZNF711	1.326	1.32479	0.939555	1.20953	1.68015
SLU7	8.86219	9.84072	8.28166	9.57576	9.41216
STOX1	2.38669	2.54519	2.58116	2.47725	2.19248
ZNF33B	2.05652	2.15252	2.95999	2.73822	1.72203
TSIX	0.00423459	0.00699255	0.0107874	0.00618098	0.00737023
ALKBH1	4.65106	3.90279	5.07735	4.85357	4.54887
DZIP1L	2.1457	2.35582	1.8364	2.09704	2.30434
C21orf59	37.9894	34.8502	37.8982	40.7716	40.0312
PRKAA1	4.89325	4.62925	5.47091	5.06696	5.12297
TXN	725.049	754.172	804.463	747.821	771.389
TBC1D23	10.2251	9.823	9.20542	9.78756	10.9294
ZBTB39	1.38928	1.91686	1.38305	1.44248	1.79605
GSPT1	19.2315	18.6328	22.3972	20.4968	20.273
EXOSC3	19.1015	14.5786	20.09	19.53	15.8762
METTL1	6.99143	8.7692	7.74456	7.60285	8.40304
ZNF491	0.213712	0.328389	0.287699	0.305245	0.27697
NOMO2	0.543289	0.994838	0.766866	0.630007	1.00053
IST1	22.6696	26.7341	23.1673	23.1369	28.6664
CXCL3	0.255053	0.483788	0.224556	0.2127	0.388325
SLC16A5	5.7641	6.77714	5.64582	6.16881	6.34141
PLAUR	115.406	105.806	99.6425	114.525	108.559
LOC401320	0.66255	0.593251	0.60669	0.705829	0.591685
TTF1	8.90234	9.69599	8.0339	10.1066	9.73773
SNHG16	115.039	132.595	123.802	118.449	129.279
FAM175B	4.35626	4.84808	4.82835	4.73169	5.17476
LTV1	11.5952	14.7871	13.9967	13.0879	14.3043
MGAT2	12.6939	15.2542	17.6067	14.8691	15.8244
EXOG	3.04326	3.59445	3.66933	4.08437	3.1614
ABLIM3	0.0430565	0.0340142	0.0226481	0.0511343	0.0315335
SLC12A2	1.41861	1.45327	1.62291	1.50771	1.45671
LOC493754	3.31539	5.99332	3.96562	3.31692	6.38805
CCS	36.1955	41.4339	32.8939	39.7154	39.8623
BRCC3	3.02194	2.83693	3.04922	3.11755	3.19229
NUDT16	5.66056	7.20817	5.85094	5.55417	7.31097
KDM4A	5.31271	5.36416	8.19312	6.96405	5.60829
REPIN1	109.324	104.984	101.989	117.487	103.826
ZNF697	1.58029	1.40377	2.14487	1.86485	1.63366
HSPBP1	38.601	35.1758	41.7349	43.5453	35.3072
CHMP1B	13.8086	18.1569	17.6178	14.9489	19.3666
HSCB	19.9464	19.4879	22.5582	21.9345	18.0463
RUFY1	10.1319	10.6041	11.6047	11.0631	10.6056
GNB2L1	2802.9	3467.39	3165.38	3061.19	3243.38
CHAC1	2.26848	12.7052	58.7627	24.0586	14.9898
CCDC88A	1.59113	1.71851	0.71164	1.58586	1.76979

ZNF44	1.97308	1.85514	2.19926	2.30305	2.05716
MNS1	0.531325	0.60192	0.412512	0.937489	0.34703
ZNF107	0.928519	0.991897	0.488056	1.03029	0.880377
CCDC104	51.1962	60.2077	45.3116	48.4619	65.1241
NLGN3	0.745517	0.901277	0.821835	0.846676	0.93285
VAPA	16.5018	16.6668	15.1926	15.0194	19.5381
SIAH1	9.99942	10.2433	11.4118	10.7455	10.4702
PEX3	9.624	7.54199	7.35293	7.999	10.1237
ZNF709	1.00248	1.10545	0.731858	0.99263	1.03823
SRRM3	12.3649	12.9231	11.5369	12.4757	12.6734
PLEKHA3	4.89252	6.04432	6.01208	5.35236	6.26932
AIMP1	17.9146	18.8174	21.1077	19.9318	19.0342
TRIM47	13.0876	17.268	15.0948	15.8011	17.0234
TGM1	0.296595	0.365346	0.270953	0.395467	0.334955
ADSS	10.284	9.4579	11.0199	11.0334	10.4571
LRIG3	0.952423	1.00233	0.869676	1.10255	1.10641
DAGLB	19.3151	20.409	18.0624	18.8143	21.5853
PALD1	10.3899	9.31999	9.71035	10.3462	10.4174
DNAJC12	30.3541	28.6946	32.2474	29.8654	29.314
PARVB	35.5333	42.1697	32.9954	35.2023	42.3064
TMEM187	7.40406	5.82218	7.94106	7.24105	6.57547
TAMM41	7.83218	7.24438	7.17423	7.49408	8.70553
GSTCD	1.69452	1.39719	1.89272	1.76046	1.62178
PHLDB2,PLCXD2	0.434128	0.654457	0.511698	0.482906	0.795659
LMNB2	43.0535	43.9549	42.1141	48.0763	43.9889
LINC00662	0.225715	0.070562	0.869504	0.536931	0.617016
UFM1	11.1965	13.6575	15.4538	13.7114	13.8296
NXF1	20.7702	26.1015	26.3102	23.1039	27.6744
OPA1	9.10229	8.62786	8.07355	9.01992	9.00785
GALNT11	12.39	12.7079	12.7568	13.7434	12.7314
NDUFAB1	172.292	155.925	177.623	173.714	172.079
TMEM66	46.6223	53.88	54.1329	50.2316	59.1297
LIX1L	9.48138	7.98914	8.01502	8.2486	9.9186
FAM225A	0.907285	0.735561	0.725901	0.906087	0.660089
STIM2	0.880669	0.841613	1.10866	1.15693	0.939467
MCFD2	19.46	21.8736	22.53	20.4666	23.8847
DNASE1L2	2.37561	1.86387	2.35543	2.85917	1.80783
XRCC2	0.780726	0.694094	1.15285	1.24168	0.674025
A1CF	0.00449941	0.0101519	0.0203167	0.00755052	0.0128586
SOCS2-AS1	0.199549	0.799095	0.398615	0.326138	0.33708
TRMT2B	2.46179	2.59603	3.06352	2.81971	2.46805
MRPS27	37.1827	38.2562	40.863	39.7239	40.9442
USP12	6.29799	6.56804	6.08713	6.09138	7.04556
RAB10	25.0419	24.6321	27.7719	25.8401	27.4041
PHF11	9.1796	7.37076	10.248	9.65405	8.31733
ESCO2	3.19119	2.48219	2.65082	3.68227	2.69115
ALMS1	0.66576	0.521686	0.592023	0.722129	0.571039
GBA	11.5014	18.2289	13.6577	16.4972	14.9147
RAD50	4.10759	3.26423	2.65142	4.01711	3.75664
ALDH9A1	32.6879	30.3885	35.4558	33.8899	33.7882
LOC389641	4.68812	4.75448	5.52209	4.82569	5.38316
XRCC4	6.86705	5.48792	6.25038	6.88529	6.1079
ZNF16	11.7518	11.7096	12.3204	12.0485	12.34
C2CD4C	9.26567	9.62336	10.052	11.1074	9.95776
SNORA10	27.3813	57.0195	32.0453	24.9466	49.2884
CIAO1	19.934	19.6618	20.9385	21.2812	21.3797
NEURL4	3.47486	3.49562	3.45535	4.20076	3.39809
TMEM178B	0	0.0062144	0	0.00360228	0.00292118
RTCA	15.799	14.8796	17.3244	17.294	15.4899
ANKRD11	11.2327	9.21982	16.5433	15.2306	8.72619
GMEB1	2.33384	1.81493	1.60635	1.84033	1.88388
DSCC1	5.76604	4.69321	6.42666	7.16618	5.12563
TIMM50	50.3709	52.4945	50.3171	52.5607	51.0502
GTPBP10	3.44331	3.56649	3.76723	3.68951	3.65125
TDRKH	1.99046	1.68473	2.57624	2.29167	2.05537
SLC35C1	7.98851	10.1967	10.1146	9.62665	9.9263
CKAP4	18.3155	20.132	22.9122	19.9688	22.6875
COPA	20.5524	18.7265	21.5431	21.7626	20.4295
BAZ2B	1.10022	1.01548	0.833058	1.07891	1.18788
CTPS2	3.9145	3.75739	4.22227	4.45692	4.07559
ZCCHC11	2.08706	2.11493	1.88197	2.17126	2.36555
MRPS18C	15.4962	16.6659	19.4846	18.5812	17.3234
WNK1	4.09196	3.30754	3.59728	4.08699	3.87058
ERGIC2	18.3264	16.46	15.1886	16.5493	19.6415
TBK1	7.35036	6.17125	6.55871	6.69377	7.37118
BAX	172.279	239.864	158.562	190.652	215.954
ACTR10	12.3938	12.7244	14.174	13.7507	13.1884
GPC2	1.61474	2.01126	1.55352	1.64149	2.07736
ALS2	3.66125	3.75726	3.72913	3.70531	4.20526

S100A13	423.105	582.774	386.557	393.277	590.734
SPDYE3	0.289586	0.231326	0.395241	0.348324	0.340289
PHKA1	5.85821	6.12468	5.7754	6.19723	6.80844
ABCC4	3.31801	2.97891	3.9115	3.77021	3.1819
DZIP3	1.04563	1.08381	1.03071	1.12511	1.21427
ESD	56.201	61.2881	58.4883	57.465	62.945
VGf	28.6224	28.1621	26.1405	26.5696	33.6363
CCDC64	1.3801	0.78488	1.57063	1.40901	0.891985
MICAL1	18.7522	16.848	16.8829	19.2933	17.7656
GTF2F1	58.0851	56.9296	54.8414	62.611	52.2286
C12orf29	3.75703	3.93104	5.00917	4.30705	4.22114
DOCK5	0.755812	0.656575	0.576161	0.777949	0.652043
POFUT1	6.40136	6.09742	7.55978	6.87447	6.77842
RPLP0	5995.4	8447.78	6575.17	6488.17	7890.18
PSENIEN	79.8769	88.7743	78.0129	86.4157	83.5675
UROD	124.254	125.53	147.518	141.758	127.118
LENG8	11.9572	10.4473	10.376	14.5087	10.9455
STOML2	270.138	329.426	277.052	287.31	313.388
C2CD2L	6.70469	5.20552	7.91556	7.93235	5.19834
YARS2	30.1072	28.3707	35.1049	33.192	28.0758
FAM161B	0.371677	0.371183	0.455942	0.578579	0.328517
LOC116437	0	0	0.0133025	0	0.0140228
ZNF598	42.2413	32.8767	49.282	49.318	34.238
RBM19	13.9541	11.9162	12.354	14.5986	11.8923
ASB7	1.9709	2.3606	2.47723	2.5721	2.28767
ITPKB	2.50775	1.98791	1.98318	2.38345	2.3511
TRUB1	4.13876	3.77065	4.37352	4.22198	4.42909
TIA1	6.76067	6.86642	6.34859	6.88606	8.51045
HDAC7	19.9588	18.2249	16.9882	20.8313	18.4212
IRF2BP1	8.11355	10.1768	9.02557	9.47385	10.587
POLI	2.94628	2.47509	2.70632	2.86843	2.73835
KCTD17	19.8116	25.1355	19.6964	20.7373	25.2246
SLC9A7	5.18277	5.33439	4.30665	4.52137	6.17072
YTHDF3	6.85917	7.89318	7.58631	7.17839	8.19351
C11orf96	0.0715414	0.0925596	0	0	0.173079
FRG1	29.9974	31.7135	30.1789	31.8873	31.8945
ALG2	13.2384	14.9881	17.9197	14.972	16.4906
RCOR1	5.51189	4.71393	5.62906	5.61554	5.38353
GATAD1	14.2572	11.6629	15.7817	14.0108	13.7154
PARK7	313.879	332.877	295.001	324.011	340.92
GLUD1	36.7277	36.8654	41.5541	40.6592	41.3662
LRRC49	1.21294	1.50215	1.38715	1.60019	1.32606
THUMP2	8.88787	9.64797	8.36759	8.94889	10.7716
CALCOCO2	11.5239	10.4995	15.1179	13.4165	11.3229
NLK	2.69986	2.10304	3.16158	2.81959	2.40662
SHISA9	1.01846	1.11331	0.889883	1.3025	1.06624
CEP68	2.34735	2.88435	2.46959	2.6128	3.06023
MAP3K5	0.726025	0.671956	0.60291	0.629006	0.803251
SEC23B	10.6898	10.0877	11.8654	11.6797	11.0498
CCT7	304.662	319.297	319.996	322.317	325.422
MRPL20	149.101	129.32	147.816	162.899	123.387
ZFAND3	21.0987	18.9659	22.3226	22.5318	18.4084
ATP5C1	210.36	201.789	235.647	206.401	227.936
ADM5	2.39898	3.30716	2.40247	3.35904	3.43788
OBFC1	2.04456	2.67897	2.00292	2.01523	2.71214
ZW10	3.98741	4.21311	4.66047	4.66865	4.16648
ST13	83.4607	99.8459	90.7297	87.9641	105.287
TBX6	0.777578	1.23692	0.959249	0.784238	1.25741
PAAF1	15.8151	15.8125	14.4536	15.6985	16.7724
PPP3R1	11.1709	11.422	13.7609	12.7478	12.1586
LSM5	18.449	20.1101	21.0709	19.8601	20.8001
CA5BP1	9.93588	10.0228	13.5992	11.476	10.3043
NEIL1	10.9557	10.4837	8.46239	10.887	10.9478
MED29	7.96662	9.89774	9.4343	9.64488	9.58963
TRANK1	0.0308326	0.0262141	0.0525166	0.0550711	0.0182831
TRIM36	2.57982	1.70324	2.28287	2.34607	2.18737
USP33	6.53003	5.98979	6.51092	6.77835	6.11672
NDUFS2	59.4328	55.1091	53.4043	60.9414	60.4761
SGK1	1.2402	4.3422	1.11366	1.54135	4.21284
COG5	12.4161	11.6537	12.4439	13.0691	12.6855
PGAP2	20.5793	21.0216	20.3227	22.5404	20.8499
LOC254128	1.24426	1.4909	1.95994	1.43918	1.55941
WDFY1	4.70461	4.65438	4.23762	4.44622	5.48314
SIK3	3.34813	2.3821	3.34525	3.61734	2.5202
PARP14	3.06103	2.80338	2.82712	3.30571	3.09854
CPNE7	50.1933	55.2174	33.531	54.6332	53.0237
PAPLN	0.0947224	0.170097	0.0723015	0.0893767	0.192826
FKBP15	28.9772	22.6829	27.3584	28.1712	25.1056
VIPR1	0.763694	0.856845	0.739293	0.681739	1.09393

TMEM168	4.19551	3.61977	4.59869	4.71768	4.32671
C8orf40	43.7823	50.4941	49.5928	45.8912	53.3142
PRPF38B	10.3163	9.6593	10.3768	11.0327	10.3282
SSBP1	239.1	211.853	287.198	270.534	221.948
SUZ12P1	4.78026	5.1306	3.84193	5.62049	4.71828
EEF2K	5.18105	5.01061	4.94314	5.71839	4.85155
FBXW10	0.0465646	0.0835475	0.0480774	0.0881884	0.0522917
NT5C1B,NT5C1B-RDH14,RDH14	10.1593	10.5891	10.7814	11.3052	10.7089
PAX8	0.927342	1.40296	1.12776	1.14976	1.15656
CBX5	4.38334	3.94809	4.1325	4.66541	4.00045
TTF2	4.41598	3.73946	5.02927	5.19574	3.8636
POLR2B	22.1459	19.8287	25.6569	23.8592	23.3744
PMVK	24.1613	26.6611	26.3901	30.1105	25.5844
TJAP1	16.2439	15.5234	18.2914	18.9276	15.8473
TMOD3	4.74072	4.82891	3.77889	3.8294	5.80759
TRABD	56.4708	46.4954	57.2494	58.1839	52.1986
LOC642846	4.13648	3.91209	3.18394	4.86185	3.93342
CRY1	8.01047	6.64953	11.4408	9.60627	6.9745
CCDC58	47.1444	36.5552	41.9713	42.7127	40.8584
TECPR1	5.55176	4.30633	4.95412	5.70026	5.03258
CDPF1	5.22927	4.981	5.39032	5.57438	4.76201
KLHDC4	19.4346	16.0395	18.8288	20.3973	17.1585
FBXW2	8.12422	8.53043	8.16213	8.48185	8.99922
WDR7	0.812906	0.62237	0.603303	0.830557	0.656039
MED12	3.21137	3.43671	3.36898	3.80165	3.09967
TBCA	289.888	267.627	314.978	302.967	266.637
ZSCAN29	2.86727	3.04551	3.75187	3.44401	2.91984
OTX1	2.03477	2.31698	1.76404	1.64265	2.91893
UBE3A	8.98618	8.00621	9.61592	10.1271	8.12837
GSKIP	3.82683	4.70469	5.57486	4.50507	5.27611
AK3	7.96965	8.35704	7.37863	8.02768	8.68815
DLC1	22.4758	22.6162	19.8708	22.4933	22.7692
PNMA1	19.008	21.7652	23.8114	21.6074	23.369
PSMG3	48.1205	59.9564	62.615	60.3424	57.1688
COPSS5	60.0954	53.9529	67.9575	63.259	56.4749
RUFY2	2.1171	1.91536	1.83261	2.1671	2.24616
N4BP2L2	11.3727	12.9327	15.9117	16.1025	12.7164
MGC45800	0.58194	0.494187	1.00797	0.800684	0.65873
EIF2S1	16.8339	16.4255	20.5894	17.608	18.4383
SLC6A9	0.479302	0.600404	6.89923	3.97994	0.453441
TNNC1	0.361579	0.654706	0.535735	0.739231	0.662125
MORF4L2	71.9947	66.5853	68.1094	71.0221	73.4672
TYRO3P	0.0751151	0.15555	0	0.0630324	0.0474879
PPAPDC2	2.92604	4.58498	4.71884	4.16758	4.43335
RCN2	21.7467	26.0427	24.9378	24.4294	26.1392
PRR11	5.76282	4.63372	7.5045	6.33607	4.61283
RAD51AP1	5.5885	5.48254	4.85152	5.92275	6.09612
AGPAT5	9.26321	7.98258	10.135	9.65155	8.88747
PEX10	16.5675	19.42	23.0786	21.0437	19.21
PPA2	40.2904	39.3297	40.7976	40.4398	42.3725
PDPR	1.57775	2.09534	1.68063	1.77717	2.38064
MTCH2	39.1882	40.1528	40.5252	39.5462	43.2727
RHBDD2	35.6538	49.253	40.1566	43.9538	47.3026
ZNF701	0.128327	0.198033	0.144712	0.162004	0.192216
PSMD10	25.7629	29.2858	26.5903	27.1087	31.6168
SYBU	5.88748	7.03207	6.88186	7.06348	6.76062
SACM1L	4.86605	3.98906	5.72594	5.39318	4.32999
LOC283663	0.174305	0.149901	0.181421	0.24559	0.192232
ZNF200	2.46089	3.40799	3.79425	3.76641	3.67437
CD5	0.0106654	0.014398	0	0	0.0265054
TTI1	5.69752	5.12422	5.52335	6.10947	5.49248
SPTAN1	31.6561	30.5314	32.3538	33.9642	31.2387
NFS1	11.7871	11.9967	9.96499	10.7961	15.4543
GNL3	63.2342	63.2425	64.3558	61.9293	70.631
NSMF	91.4805	105.343	95.4347	101.864	107.605
CD97	24.8782	23.1359	26.9505	29.3908	21.4105
RBBP5	3.01493	2.83775	3.48429	3.44515	3.29589
SLC25A43	6.89023	7.28314	8.06063	7.21478	7.45392
SPECC1	6.953	6.60305	6.87174	7.1595	6.6495
VPS4A	55.4752	57.9092	57.9704	59.1619	59.9163
SDAD1	8.8378	9.0066	9.94853	10.2598	8.9832
MZT1	15.6071	13.0992	17.7121	16.4832	15.1869
TRNAU1AP	12.6702	13.1047	14.2714	14.6485	12.729
MROH7,TTC4	13.0016	14.4043	13.8576	13.5859	15.2869
GOPC	4.87402	4.6134	5.33825	5.21812	5.59454
ADAP1	17.8753	16.8697	22.3535	22.2238	17.1908
SUPV3L1	18.4613	17.1087	23.0005	21.5526	19.1555
MUC12	0.299357	0.311261	0.266209	0.292756	0.354512
SSRP1	102.334	100.938	101.424	108.618	103.123

HKR1	6.76193	6.74391	7.87642	7.36771	7.32808
TOR1AIP1	13.9904	14.5825	14.322	13.5844	16.4054
PRKAR1A	22.1491	22.7353	19.9387	21.0956	26.0439
LMBRD2	0.267454	0.317556	0.306955	0.357049	0.319797
FAM105A	0.812181	1.01941	0.643608	0.88355	1.0533
ANKRD18A	0.445919	0.659357	0.261286	0.448145	0.683123
ATP6V0D1	56.187	59.9226	59.6719	63.3265	56.7123
NFIC	10.218	8.31285	9.3603	10.9789	8.95257
RAB11A	21.2631	22.5262	21.5578	21.33	25.4121
ITPK1	30.5732	31.6372	32.455	34.9835	31.3945
PHB2	409.397	488.537	453.453	452.838	470.869
EIF4B	138.846	177.495	158.102	154.123	172.886
PHF20	3.02846	2.51331	3.01813	2.81131	2.86315
PHRF1	8.7411	9.8382	8.01169	9.79772	9.07065
P2RX4	12.2355	15.4037	11.7406	12.1675	15.3109
RHOQ	13.9257	15.2873	16.6394	16.0119	15.3974
RAE1	23.6919	27.1644	28.8809	27.6438	27.1666
ADAM22	0.592643	0.45969	0.50784	0.583033	0.565488
RPSAP58	40.1539	59.2438	46.7909	44.5973	56.9523
YTHDF2	23.5803	32.0833	30.2332	27.5434	31.7452
C21orf91	0.999996	1.18488	1.3811	1.17552	1.19189
RIPK2	39.9327	34.7959	43.3156	41.2329	36.9053
ATG2B	1.3617	1.13024	1.14042	1.41701	1.3126
COX7A2L	85.4016	117.361	121.391	104.948	110.818
VPS26A	18.5734	19.7707	25.2202	23.0569	21.1034
C17orf80	2.60373	2.23658	3.55969	3.16716	1.99993
LIMD1	4.55036	3.9181	4.98986	5.06737	3.96011
HYOU1	17.7745	19.1698	25.4119	23.8336	17.7054
GP6	0.169967	0.161453	0.0535828	0.0971119	0.258236
OXA1L	143.88	195.802	159.877	170.376	180.564
STRAP	71.9691	68.3886	85.3407	78.7942	74.8954
AATF	48.2303	45.7904	49.334	52.7325	47.6947
FHL3	36.7578	32.2809	42.4739	41.0526	33.209
L3MBTL2	8.08002	10.4725	9.23424	10.3213	9.22501
ZNF581	137.769	141.352	163.683	151.478	123.554
AHCTF1	2.33417	2.11404	2.19661	2.4586	2.31231
YWHAB	43.5737	46.1605	51.9737	49.7402	48.9175
D2HGDH	10.2205	10.8767	8.29218	11.3119	10.1965
HNRNPH3	35.9306	35.3498	37.8698	39.2203	37.8239
ORC6	15.2942	11.0477	16.0365	18.481	12.2518
SNORD89	7.0455	9.20254	8.44027	0	0
HSPBAP1	6.04833	4.73109	7.32157	7.59557	4.19518
CAB39	8.51867	7.79125	10.0592	9.30753	8.68887
SERAC1	3.47137	3.15942	3.36398	3.95103	3.33276
PPP1R10	9.22694	9.55969	15.0395	12.3965	9.93586
PINX1	11.894	10.3035	15.5815	13.1066	11.1349
MSTO2P	0.222026	0.412689	0.175231	0.260439	0.364634
CPD	3.91229	4.36944	3.75977	3.87496	4.8318
KIAA0319	0.0577707	0.105647	0.0408641	0.0473736	0.132313
LOC400684	1.2426	1.0671	1.81994	1.55464	0.988418
PROSER1	5.75364	4.6283	7.58776	6.73264	5.31947
ZNF346	3.33221	2.70771	3.64465	3.80792	2.46204
SETD1B	2.93454	2.19742	2.68168	3.35991	2.18028
WDR59	13.5162	13.3018	10.5233	12.2774	14.6686
DDX60	0.225474	0.242569	0.213993	0.198286	0.267703
EEF1A1	4916.16	7509.62	5760.29	5289.81	7574.97
CACTIN	12.4175	13.0843	12.7876	13.7094	12.7401
RABEPK	36.0873	40.1862	43.6954	39.1676	42.4817
ZNF883	7.6745	7.85141	7.30489	7.48456	8.81971
NDE1	5.61134	4.33094	6.64526	6.60196	4.52308
BST1	0.442031	0.371433	0.459731	0.440349	0.433952
ZNF597	0.757697	1.24615	0.900101	0.729036	1.4602
WDR74	57.8107	56.9477	67.0519	68.2991	55.1245
HSPA14	14.8301	14.4569	17.9319	15.4606	16.5179
NUP188	33.9215	31.372	29.2229	35.0136	34.1931
SPRED2	9.42665	8.48518	9.41028	9.84361	8.82948
STMN3	18.4459	19.0772	17.1179	19.4545	20.0589
SIKE1	4.1476	4.11556	4.40064	4.45149	4.12847
CUEDC1	5.57996	5.28351	6.35582	6.15835	5.27563
ZNF227	3.5361	3.08716	4.0509	3.81065	3.39602
RNF219	3.32953	2.88838	3.89545	3.52894	3.48159
DSP	2.45928	1.97511	2.73747	2.73892	2.05596
TRMT12	3.9153	5.45596	4.54099	4.0572	5.74499
KIAA0317	4.66176	4.90338	5.07906	5.3826	5.08743
ACOX1	4.0807	4.42918	3.79487	4.3382	4.63298
LOC151171	0.0273244	0	0.0333552	0.0227242	0.0172593
CFLAR	4.15474	3.95687	3.30456	4.30417	3.63209
ZNF789	3.3021	3.28201	3.9044	4.22793	2.81119
GOSR2	6.32532	5.57728	7.40818	7.10875	5.98079

UBL4A	23.8115	24.5175	26.0023	26.7105	23.785
SCARNA20	0	5.90605	0	0	6.26275
AAMP	118.693	117.56	135.725	130.557	119.425
ODF2	22.238	18.4421	21.5018	23.2774	20.0804
IPPK	6.96364	6.6211	6.68254	7.29901	6.88249
PKP4	8.78338	6.91943	9.77925	9.82255	6.7468
SAMD5	0.582492	0.562632	0.647681	0.689933	0.636076
EFCAB10	0.898926	0.804289	0.53259	0.946337	0.720195
KLF13	6.16633	6.46479	6.99005	7.09958	6.45724
CCDC71L	1.65017	3.39624	2.87101	2.2448	3.51592
INHA	0.683544	0.38907	0.640058	0.666417	0.864899
ACLY	34.3977	32.2565	33.5849	37.8175	33.6238
DLG1	3.71449	3.33432	3.50902	3.88217	3.77168
MAP2K2	152.591	154.038	169.191	162.791	153.349
ZNF876P	0.130993	0.0563194	0.088502	0.141168	0.0534497
C9orf173	0.264302	0.288371	0.0587355	0.0726123	0.317025
CNBP	106.906	117.769	122.316	115.403	124.542
DHDDS	6.80984	6.55233	6.64781	7.05286	7.14304
CECR7	0.706704	0.88336	1.37585	1.12263	0.993356
C10orf88	1.12834	0.801973	1.15528	1.0815	0.990389
MAG1	0.811967	0.892164	0.686842	0.73969	1.05332
GFCF2	12.4724	12.588	11.8142	12.5695	13.2967
CORO1A	18.8049	21.0912	15.4571	19.4999	22.6345
FLJ43663	4.31462	5.91464	4.81935	4.56853	6.35782
MPZL1	12.8237	15.7033	13.4157	15.1036	14.9627
SPATA13	1.67853	1.31174	1.62739	1.76803	1.58268
TTL6	0.0581332	0.0396416	0.0355897	0.0320911	0.0748038
PHKA2-AS1	0.160249	0.0739826	0.0982147	0.133997	0.170083
RPL3	3554.43	4559.47	3766.68	3808.61	4306.72
PPP1R9A	1.59897	1.42104	1.38696	1.73984	1.36693
CNOT11	22.2212	23.6329	23.5807	23.4539	25.2514
CRBN	5.41059	5.55089	7.54259	5.95479	7.03203
SAAL1	19.0038	16.5683	22.5266	21.8365	17.7258
RNF126	73.6687	67.1426	84.0026	85.1451	71.1656
TOLLIP	24.9007	20.5343	24.3948	24.2689	21.9205
AP1AR	7.25329	5.07139	8.19159	7.08786	6.61312
RBBP9	2.4454	2.99534	2.6972	2.92961	2.79175
HSPA6	0.100218	1.34021	0.102894	0.118935	1.36855
ZFYVE16	1.63286	1.33947	1.38311	1.59834	1.50166
CAPN2	149.967	147.365	147.911	156.218	161.98
HERC2P9	3.89317	3.62969	3.12632	4.09019	3.71792
GEN1	1.90597	1.43752	1.87157	2.35804	1.36312
RPL10A	2718.13	3530.14	2987.11	2956.66	3244.9
TTC23	3.16284	3.27192	2.8247	3.23508	3.12297
HLF	0.0129517	0.101894	0.0329923	0.0650402	0.0602708
TFB1M	6.59052	6.3528	6.39511	6.99802	6.623
CYB5D2	10.6579	15.0881	15.5293	12.2115	16.5088
MAP3K7	6.31096	5.3348	5.74755	6.29121	5.83915
CDC42EP2	21.0946	20.7893	22.6769	24.1694	19.8673
RABGAP1	4.59438	4.40254	4.4097	4.85422	4.48539
HNRNPC	144.241	157.803	157.716	151.847	164.445
TOMM70A	17.6386	16.0263	20.6397	18.8971	18.5867
TMEM203	51.2723	70.1307	65.8074	63.0411	67.7999
DDX27	13.2655	11.34	11.713	14.3083	11.565
UCK2	23.2409	22.249	24.0827	24.3538	23.2901
C16orf55	6.05811	8.90163	7.43825	8.60847	8.20882
TRMT1L	3.41446	3.04696	3.70049	3.64898	3.59283
GTF3C3	11.0379	10.3502	11.836	11.7518	10.966
CENPH	26.7905	22.501	25.2227	30.2431	23.6994
TMEM9B	11.766	18.1732	15.0302	14.7516	18.6644
TMEM33	6.92171	6.79794	8.46134	7.39505	6.90332
PUS7L	2.85216	1.87741	1.96963	2.26522	2.37657
IRS2	4.04629	3.76594	3.68283	4.22676	3.47204
CSNK1A1P1	0	0	0.0180956	0	0.0192105
BAIAP2-AS1	2.44186	3.25265	2.72789	2.7483	3.22681
USMG5	378.356	339.351	375.984	368.553	341.982
YWHAQ	134.362	156.234	139.625	139.024	173.422
SLC36A1	1.05794	0.82768	1.44263	1.41813	0.89045
RAB3GAP1	8.29059	8.7001	8.86954	9.31695	9.08272
GFM2	10.4648	11.0409	10.9333	10.994	11.6195
ATMIN	3.54071	3.99002	3.92657	3.72147	4.4478
TUFM	324.42	315.902	291.51	337.473	317.199
JTB	135.634	156.336	151.413	153.414	150.076
PLAC8L1	2.16342	2.13951	3.43403	3.48866	1.68611
C7orf29	9.60372	22.3181	12.8279	12.5942	19.2572
SEC16A	15.6071	15.2183	16.3242	17.7695	15.6973
VWA9	26.935	28.4616	30.1907	29.596	30.4595
POMZP3	6.46011	8.56971	8.48267	7.6956	8.15316
CEBPG	9.94028	12.7967	30.0798	18.4338	12.5715

ZHX2	1.83759	2.15822	2.1662	2.22824	2.36617
GBP2	0	0	0.0208191	0	0.0221127
ATP5D	364.895	349.575	388.138	420.9	321.829
RNF145	28.9345	28.902	28.4626	30.0584	29.753
CCND1	22.5766	25.2454	27.8607	26.6428	24.3164
TOMM40L	8.22412	8.37607	9.64614	9.07697	9.46758
SPRYD4	7.52509	8.28714	8.76038	8.50828	8.31337
NFYC	17.169	14.4625	19.3513	17.9301	15.2041
GOT2	79.699	83.7223	76.4363	83.5483	89.4891
UBE2B	21.7041	19.1148	22.8873	20.8625	19.9796
CALB2	14.8465	18.2298	12.4939	14.217	20.6994
WDR5	39.6186	41.9013	41.514	44.4881	42.6142
PRPF4B	3.13952	2.90802	2.79859	3.2909	2.99725
RPF1	16.5642	18.4613	21.6008	19.1643	20.1567
RABL6	137.385	128.83	131.354	145.109	137.545
FAM211B	10.9688	10.6119	8.35876	10.5128	11.7377
FLII	73.6516	67.9119	71.481	75.4315	71.6582
GOSR1	5.40404	5.54166	5.20774	5.83138	5.63138
LOC253039	2.13625	2.05031	2.85104	2.39671	2.12446
CTNNB1	49.316	50.9315	58.5923	54.1556	54.7329
MRPL3	49.2311	46.3553	57.0594	52.8314	50.8662
AGXT2L2	9.75034	10.3555	9.76035	11.0395	8.9994
ALG5	25.6473	31.3693	33.2229	29.1557	32.8192
ARSD	4.48704	5.06223	4.48734	4.88389	4.78311
ZDBF2	0.548666	0.5103	0.551039	0.528237	0.565684
TRNP1	11.1187	13.234	17.077	14.7826	12.61
LOC100505876	9.30655	10.333	11.521	10.8014	11.0307
ZKSCAN7	0.382676	0.678779	0.694735	0.565636	0.780121
C4orf27	17.6809	13.6921	16.3842	19.63	16.297
MATR3	37.284	40.2785	39.7472	40.0315	43.9605
FAM219B	8.78901	8.52539	9.87489	9.96712	9.02927
DUSP14	29.1171	37.2387	34.2844	29.7309	40.4109
ADAM17	3.10997	2.90508	3.5299	3.43629	3.44417
C14orf119	20.7168	23.5967	26.909	23.1517	25.1207
SMARCD1	20.8569	24.488	21.8318	23.6032	24.8815
LYPD6	0.917514	0.757094	1.03737	1.12437	0.8028
NAA38	3.86607	3.38301	4.77776	4.74597	3.62001
ADC	2.97086	4.41026	3.04007	3.76477	3.70838
ZNF765	0.782285	0.964305	1.08296	0.894072	0.999091
SRM	165.451	161.912	167.01	183.454	160.353
CXXC5	3.92395	5.21769	3.57647	4.03783	5.4076
SPATA5L1	11.3916	8.787	11.3755	11.3399	10.3094
ALG10B	0.45643	0.48748	0.561301	0.576293	0.518438
LENG9	16.5413	13.4436	18.8754	19.0862	12.6492
MRPL55	69.4593	71.121	58.7579	72.5831	69.6988
DNAJC2	26.1816	19.5737	24.0156	27.405	22.479
SEC22B	11.1088	10.5415	13.4426	11.3012	12.5041
ZC3H6	0.244218	0.190341	0.131836	0.231173	0.180768
MSH5,SAPCD1	10.8759	10.1179	7.85707	12.1714	9.18581
DEK	46.0796	43.622	44.8904	51.9311	45.9005
FAM184B	0.251006	0.184841	0.197328	0.334697	0.227773
SLC25A39	351.916	402.928	322.366	381.151	381.25
ETS2	5.77882	6.15285	7.50766	6.75444	6.32145
EFHB	0.0283984	0	0.0177157	0.0235557	0
LOC100507266	0.158662	0.156359	0.199394	0.182547	0.185158
RPS9	3775.85	5114.17	3890.99	4047.9	4536.36
RNASEH2B	18.3057	18.9769	21.0759	21.0616	19.0077
SCCPDH	24.9803	28.8516	27.5483	26.0065	31.2666
LYSMD4	1.8476	3.57548	2.63181	2.6774	3.24567
POP7	108.824	127.34	138.283	128.262	123.546
GCSAM	0.132031	0.323689	0.120349	0.0630087	0.470041
SLC2A6	14.1562	16.04	19.3938	17.6291	15.8007
YBX1	566.961	655.935	597.605	615.587	680.666
ADO	6.46052	6.65373	8.29143	7.71544	6.97349
CSD1,NRAS	33.4277	35.4856	36.8479	34.6131	37.6307
RUNX2	1.66402	1.98885	1.59108	1.78857	1.90607
AARS2	6.7303	6.70848	5.79882	7.21268	6.81117
KDM4C	3.86072	3.31153	3.26129	3.26201	4.02779
PPRC1	9.282	11.7957	11.1953	11.3425	11.84
FAN1	2.86016	3.41396	3.41219	3.74744	3.21168
TOM1L2	4.01295	4.30301	3.88097	4.39209	4.64351
FAM131A	22.3484	13.899	17.7448	21.3058	15.8855
COPB2	21.0714	21.34	22.55	22.3101	23.5393
IFI30	55.5739	53.8184	44.7681	60.8558	53.1294
METTL2B	5.67776	5.85559	6.49581	5.99777	6.14596
SPATA6	0.538129	0.398891	0.749097	0.619487	0.501836
NKRF	4.61822	4.43396	4.89658	4.90547	4.76597
PRKCE	1.64141	1.46141	1.0248	1.63919	1.45295
FAM118B	5.01834	5.04967	7.33901	5.72816	5.7107

NDUFAF2	91.9982	86.2257	102.374	97.7278	86.8751
CCDC121	0.245961	0.242645	0.266418	0.30581	0.18115
CDK20	7.82034	8.26823	7.76381	8.34429	8.41042
PLEK2	45.2999	53.1393	37.6064	46.2011	53.279
MRPS30	41.3454	36.7143	42.7108	44.1415	37.5212
CCDC86	41.9317	39.8229	45.4245	43.8195	42.2682
SLC7A1	12.4666	11.4042	21.8741	18.4109	11.5136
GJA3	0.585082	0.58166	0.837194	0.616641	0.802542
MKRN2	10.4287	9.44372	10.8963	11.0668	10.2198
PNCK	0.133829	0.357184	0	0.269238	0.111281
CACYBP	43.5359	45.2206	44.2867	48.2527	47.0699
ACTR8	2.91854	4.03588	3.16509	3.32312	3.92788
KLC1	18.2601	16.6554	18.4524	18.8805	18.6903
SEC14L4	1.21578	1.39841	1.77231	1.64799	1.76968
BTG3	25.3923	22.5435	28.5348	27.9297	23.1917
AKIRIN1	15.6484	17.4366	19.4817	18.5385	17.6331
NFAT5	3.43252	3.10111	3.03131	3.26163	3.38158
VPS35	14.5719	14.035	16.1113	16.3091	14.4704
RBM15B	10.5434	12.3431	12.6246	12.2666	12.0156
ADCK4	22.9653	18.3899	21.997	23.766	20.1994
LXN	9.25328	7.87078	9.18708	9.92556	8.17669
DNAJC10	5.78544	6.33134	6.30806	6.3876	6.87861
KLHDC10	4.63997	2.95845	4.16176	4.58713	3.44608
SNRPD1	68.1408	59.0826	73.7535	71.353	65.1689
LOC100862671	3.82008	4.37999	5.19458	4.69452	4.53411
CASZ1	1.8588	2.49127	1.70496	1.97266	2.14103
TOR1B	14.9701	17.9538	19.8826	18.2915	19.1265
SNORA61	11.7411	46.6755	18.3227	18.6573	27.9459
AP3S2,C15orf38,C15orf38-AP3S2	12.3893	13.0456	13.3563	13.4067	13.3872
MTM1	0.617793	0.863275	0.689824	0.651745	0.988156
PSMD6	73.5865	74.3687	85.112	80.3431	78.3679
DHRS4	13.4692	17.0989	13.7635	14.8919	17.6542
GMPR2	36.9118	41.9578	38.4153	38.6846	42.1153
ING5	3.41322	3.34961	3.17821	3.51348	3.9826
CENPV	61.1553	69.4465	55.8898	63.9774	72.0995
EXOC3	14.8774	11.5439	13.2693	14.5752	11.9556
UBA1	104.012	101.953	90.738	108.043	107.079
MIER3	1.6653	1.67486	1.85105	1.75688	2.03712
SLC9A2	0.150392	0.0915089	0.216474	0.125257	0.115433
FKBP14	2.72025	2.21998	2.14046	2.44009	2.82066
IRAK4	3.80206	3.73824	3.73813	3.88173	3.94854
CPSF1	30.7139	34.6798	28.6042	34.7056	34.2827
PSMG2	72.935	69.6179	81.3056	78.6683	72.4382
CRLF3	6.13198	5.28383	6.38924	6.06207	6.09356
NR1I3	1.36529	1.38728	1.66209	1.85436	1.42005
DDX18	13.6945	12.9284	15.9574	15.2084	14.5002
CSTF2T	4.17549	4.82967	4.93378	4.84752	4.98496
PEX11B	10.3827	10.9101	14.1366	12.1422	11.9826
LARGE	3.6403	3.54161	3.92617	4.35285	3.6845
JAM2	0.0536732	0.0789699	0.050367	0.0590786	0.0703701
C7orf73	9.54374	13.5012	12.8361	11.7885	12.9076
COX15	8.84197	8.99877	8.93222	9.25431	9.53941
KIAA0947	2.9776	2.54996	3.08437	3.21977	3.01564
LINC00482	0.051297	0.136099	0.0154548	0.0859883	0.0621658
EIF4ENIF1	4.10034	3.59867	4.35062	4.42323	3.7064
MPP3	5.68706	5.69739	5.08534	5.97398	6.01115
LYN	10.2316	10.6869	10.8971	11.0033	11.9601
FMNL2	8.16866	8.37267	6.47922	7.93991	9.08993
THUMPD1	3.45724	4.29361	3.74528	3.72794	4.46442
CCZ1	8.88914	8.13596	10.2208	11.3473	7.96206
BAG1	12.5963	18.4273	15.8053	14.3992	17.8346
BRD7	27.395	24.1688	28.3002	31.4043	25.2564
ZFP106	3.55044	3.87776	3.39038	3.79083	3.99032
RNF31	10.6233	12.1916	8.59888	11.9452	10.6243
MSX2	1.8845	2.663	1.79727	1.85391	3.10336
RAB13	95.3594	118.342	75.4744	93.9501	122.179
GTF2IRD1P1	9.51514	8.53019	9.21083	9.20412	9.38282
LETMD1	38.9824	42.9695	46.2116	46.3437	39.6109
GPR137B	10.1582	10.2251	9.98239	10.6766	10.8159
LOC100130357	0.21933	0.164194	0.187132	0.172929	0.187063
TBL2	17.1032	19.6677	19.0127	19.0982	20.51
SF3B14	239.204	265.954	239.035	232.093	284.53
SEC24A	2.42157	1.76524	2.18796	2.17963	2.35669
DNAJC21	2.91353	3.06482	3.37481	3.33928	3.29904
TRUB2	65.8372	68.0804	66.0261	71.8884	68.8347
CDC14A	0.954256	0.863532	0.973698	0.996306	0.9352
ZNF761	2.66489	3.02166	2.98223	3.11353	3.16635
RBM38	33.3528	37.3918	35.0473	35.7832	39.7447
CDCA7	18.1158	18.5074	20.4869	20.871	20.0136

DLST	45.3527	46.2429	43.0452	49.7374	48.1297
FASN	37.8467	39.7585	31.3048	38.7481	41.8515
ORC3	8.97308	7.48781	9.77984	9.64229	8.08122
EPHA2	100.023	65.2732	77.0997	102.59	69.0785
HOXC11	5.77984	6.14235	5.96423	6.39758	6.2827
PRR12	5.63442	4.7581	4.57177	5.71493	5.36823
ZSCAN25	1.70774	3.97394	2.65965	2.39418	3.81986
VSTM2L	0.0999545	0.0661367	0.0299256	0	0.121485
IL6ST	2.55324	2.85028	2.45751	2.40885	3.39785
ANKS6	8.89538	7.95475	10.1255	9.82705	8.90503
ELMO2	3.893	4.58259	4.51879	4.65336	4.39524
VPS18	13.0399	14.968	13.7226	14.9702	15.4631
STK24	32.85	32.9726	36.4793	36.735	33.6882
ZNF708	1.04011	1.51017	0.863331	1.13421	1.66303
ZNF267	2.86222	2.4509	2.31092	2.95699	2.66135
TOMM22	70.716	94.0809	82.3732	80.6946	91.0137
LEPREL4	23.9176	21.8515	21.2642	24.6359	23.089
PAICS	95.5051	82.0491	105.891	103.192	93.102
ATP6V1H	36.8184	27.4609	36.5427	37.8808	29.2644
SPTSSA	11.7595	11.4387	11.4167	11.4537	12.9511
HIP1R	15.3573	13.5163	14.6674	16.8332	13.6701
MDM2	12.4612	15.0764	12.1541	12.3886	16.4162
ZNF777	14.1757	15.049	15.7788	15.8407	15.2481
LDHB	739.397	824.441	805.414	793.957	856.914
PIK3CA	1.42448	1.08178	1.13419	1.24294	1.40081
RPL34	869.852	1237.59	1004.92	945.677	1174.58
ABCE1	18.5787	18.6016	20.2959	19.0058	21.5039
ATP5B	426.297	455.407	454.785	459.464	474.825
EIF4G3	3.41546	3.21186	3.24996	3.64014	3.33872
SCAF11	4.52996	4.20575	3.56294	4.34056	4.68388
TCTA	5.65552	7.54812	10.2734	7.90846	7.58736
C19orf40	1.66819	2.31389	2.4798	2.5708	2.38074
PKD1P1	15.6906	17.6055	16.0272	19.0512	17.8041
HMGN4	42.9828	50.2758	48.6116	48.0615	51.9617
LOC653160	0.775912	0.944295	0.925757	0.814917	1.17993
LRRC8E	13.7895	18.2238	13.9521	16.0816	16.2383
CD2BP2	29.5668	31.3038	35.5198	34.4302	29.7813
TAF9	83.8224	90.3114	105.276	101.371	87.928
LRP2BP	0.477349	0.360406	0.283067	0.418863	0.420464
PTP4A2	34.6204	39.7365	49.9938	42.1299	41.5835
DDX3X	24.4414	30.396	27.2626	25.6184	32.9553
LOC100506746	0.476701	0.540776	0.689143	0.730072	0.480329
PRDM1	0.193264	0.237296	0.154452	0.212732	0.236741
LYRM9	2.43398	3.81586	2.24246	2.85428	3.45065
FOXO1	1.16029	1.06916	1.28906	1.24494	1.22126
CUZD1,FAM24B	7.75889	9.1391	10.2768	8.55709	8.48051
FGFR1OP2	7.00352	8.5554	7.27104	7.19229	8.79062
ZNF596	0.291755	0.433751	0.567956	0.462869	0.42039
PSMD2	317.64	285.219	300.697	318.136	324.118
SLC35B4	2.83508	3.19069	3.22377	3.33338	3.39848
SLC25A15	4.43533	4.74582	4.9849	4.68984	4.82164
KIAA0368	18.0235	16.1171	20.3913	20.539	16.9503
CORO7,CORO7-PAM16,PAM16	146.476	136.622	166.967	157.161	137.449
WBSR22	107.968	102.299	101.7	110.862	106.053
TMEM198B	2.13959	2.50834	2.05727	2.33551	2.93731
SYF2	33.9865	34.7631	39.8051	38.1041	34.6893
SREK1IP1	3.25464	3.35826	3.56206	3.50773	3.56376
SEC61A2	7.5043	8.27945	7.1457	8.33019	8.74516
C9orf41	1.07733	0.863501	1.01849	1.22954	0.925877
CUL3	5.47012	5.70342	6.05468	5.79526	6.39845
SKIL	1.17365	1.23338	1.09368	1.1063	1.30346
DCAF4	7.01859	9.28345	9.32843	9.0318	8.49907
CENPBD1	0.86208	1.7907	1.61031	1.53155	1.65455
TBC1D20	9.44718	9.49325	12.0658	11.1772	9.87357
ACOT2	7.89967	8.46601	9.36824	8.47556	8.16425
HMGCL	38.2873	43.1126	34.8595	38.1256	46.3277
HIVEP2	2.95818	1.8445	2.21446	2.83556	1.92178
PPP3CB	7.96725	7.59068	9.51605	9.37716	8.27794
SLC16A14	3.2095	2.85127	1.87483	3.40349	2.78698
METTL21D	3.10935	5.22906	3.77844	3.03939	6.17293
EIF5	13.7479	20.4394	25.2349	17.0261	21.9651
KSR1	0.136233	0.127378	0.201169	0.10766	0.198068
CTNND1,TMX2	49.8773	56.772	65.8764	59.4186	57.4393
PPAPDC1B	32.7386	33.5601	31.9858	33.9396	31.9763
GUSBP11	4.36017	3.57258	4.29976	4.49904	3.86846
LINC00032	0	0	0.0100266	0	0.0107151
PPM1F	12.0126	12.0231	11.8833	13.3972	11.9499
ANKRD20A12P	0.356439	0.923606	0.398519	0.339	0.77681
ERF	30.7773	21.0697	30.8356	32.4287	24.002

EMG1	29.0777	39.149	30.6992	35.782	36.9702
NAT16	1.58877	3.50385	1.41913	1.68221	3.83336
SLC25A28	20.8476	18.4222	17.7761	22.6722	17.713
ZSWIM6	2.36867	2.07751	2.31983	2.5357	2.10983
ZNF616	1.36845	0.966077	1.41178	1.49278	0.857705
CDCA4	30.1848	37.9539	30.0893	32.3933	41.0301
TOMM34	84.5016	92.9785	71.3341	84.6748	100.876
PPOX	14.9735	15.6544	15.2138	17.1814	14.9097
HES1	19.3028	17.4782	26.4833	22.4582	16.3086
PI4K2A	15.0579	16.2747	14.107	16.335	16.3429
FLJ14186	2.13202	1.61315	2.27615	2.98838	1.88919
CDCA7L	33.9411	38.7503	30.7682	32.5131	44.6712
RNF123	9.7843	8.18714	8.49133	10.2667	7.60125
KBTBD8	0.722749	1.01244	0.842573	0.901429	1.06622
DBNL	38.6987	37.4397	38.4998	44.6733	37.1663
SH3PXD2B	4.33052	3.50112	3.52136	4.59553	3.92676
TMEM80	9.98827	11.9475	12.9114	11.5279	12.8402
KATNBL1	6.42584	7.15447	6.86904	6.94747	7.93781
BBS7	2.25029	2.6597	2.85833	2.84128	2.70903
SEPT2	40.1515	41.2457	43.92	45.6513	44.1379
UNC5A	1.83787	1.14353	1.65659	2.17711	1.19658
FAM92A1	27.8607	34.2538	31.9002	32.6276	34.2871
LOC81691	6.16156	5.27537	6.47117	7.41253	5.62176
USP38	2.99278	2.77111	2.93735	2.99094	3.03098
LOC400027	4.73187	7.9005	5.08918	5.18701	7.69126
MON1A	9.13533	8.70503	12.0627	10.4381	9.11421
PECR	3.31979	3.18153	2.90539	3.06155	3.50629
ZMYM4	3.40267	2.79437	4.00465	3.97822	3.13009
LOC401074	0.257608	0.040065	0.168019	0.0949227	0.301477
MRPS16	30.8267	36.5301	37.3333	37.3558	37.0256
CLDN9	0.338952	0.423098	0.153477	0.17854	0.538121
LOC399744	2.31234	1.94654	2.18553	2.57572	2.04123
EHBP1L1	10.1495	9.17855	9.12798	10.2434	11.1346
CASC5	0.48645	0.426857	0.427921	0.563507	0.457588
ZDHC24	36.2736	32.7345	33.1601	35.8093	33.5023
SMAD1	3.52594	3.50898	3.79694	3.57187	3.91538
ACACA	4.35497	4.13329	3.96174	4.69262	4.31935
MTPAP	7.55196	6.88687	8.50671	8.29579	7.47387
LIMD1-AS1	5.52981	5.25704	5.88596	6.51573	5.6954
ANP32E	16.7219	15.4609	16.235	18.5255	16.1879
C9orf91	7.17068	6.22786	11.5711	9.74889	6.85397
DPCD	66.9899	92.0586	53.8459	56.6496	105.348
NIPA1	5.89651	5.4556	5.05118	5.99076	5.56622
RRN3	12.2299	12.04	14.321	13.0326	14.0883
ZNF276	4.94434	5.92542	5.52366	5.92056	6.18321
NDUFV2	159.706	167.89	146.644	165.332	176.598
ACP2	8.34932	8.83906	8.69525	9.38215	9.65383
GORAB	1.56519	2.1191	1.91178	1.82888	2.46773
SNORA25	11.0719	4.95981	0	11.9808	5.09186
MPHOSPH6	24.0436	19.5798	19.6091	23.9456	22.9215
NUDT17	1.39384	1.3499	1.87422	1.61865	1.32314
KCNK5	3.40257	3.91119	5.1129	4.0621	4.58473
AMT,NICN1	2.70276	2.3402	1.39284	1.94009	3.40676
BRIX1	30.729	31.0464	33.2332	34.503	31.8169
FAM200A	3.14783	3.13778	3.81827	3.93686	2.95969
NTN5	0.489103	0.797895	0.54639	0.565512	0.9148
DLGAP1-AS1	2.17588	1.67409	3.28877	2.90346	1.11439
USE1	35.9112	39.5017	39.2581	38.5658	37.6549
SMARCD3	52.8443	67.4313	55.6684	58.3963	66.1989
PPARGC1B	0.575678	0.391076	0.472386	0.538243	0.422616
SNRPB2	38.3115	40.2904	43.5987	44.2535	39.7797
COASY	48.7637	45.8838	48.0602	55.9003	46.5666
SNX6	21.9569	23.9258	24.2804	22.7335	27.5614
ZNF207	40.6348	39.2275	57.0606	47.789	40.7772
CNTLN	1.32594	1.25106	0.72246	1.33925	1.2638
MBTPS1	13.0228	14.1785	14.9712	14.883	15.3967
VAC14	29.2695	30.1358	26.4753	30.8204	30.9262
ATP6V1G1	87.4101	106.871	101.659	97.1761	105.744
RSBN1	2.57005	2.0878	2.27571	2.41396	2.33078
GOLGA3	5.68737	5.00817	5.96693	6.30361	4.91514
SIGLEC10	0.0322502	0	0.0130378	0.0481484	0
RBM12B	2.54125	2.288	3.34936	3.15538	2.3933
CTTNBP2NL	5.34585	3.3215	5.80117	6.01657	3.43249
NCBP2	27.6139	29.6669	31.5392	28.7741	33.3708
CASP10	1.0301	0.918791	1.00829	1.10287	0.939245
ZSCAN20	0.279256	0.432088	0.34248	0.388799	0.410846
TIMM8B	38.6229	47.0758	48.4041	44.3741	46.5669
NR3C2	0.312624	0.209187	0.208202	0.282409	0.254663
LOC286467	0.612651	1.1798	0.799456	0.940054	0.926118

RPL6	2325.82	2811.56	2704.64	2604.93	2710.1
LOC100289137	3.58979	3.12888	2.70433	3.96403	3.4245
SH3BP2	6.0504	6.59285	6.89586	7.2777	6.78998
PRKCI	7.87235	7.79331	7.51898	8.32699	8.51494
LOC440028	1.36977	1.68422	2.152	1.83345	1.74167
CSGALNACT2	4.36199	3.88445	4.67687	4.9605	4.20925
PRKCDBP	21.4937	22.9339	25.4962	22.7211	28.3036
NADK	38.3408	43.832	41.5815	44.9679	43.1935
ARPC1B	149.115	144.22	151.727	164.456	149.361
NAA20	79.9812	77.1046	90.545	87.3601	82.1734
ZNF382	0.107713	0.115553	0.0274315	0.107864	0.0693271
COPS2	15.6681	17.4441	15.9848	16.1643	18.3253
TTC14	1.27873	1.17551	1.79156	1.6392	1.12078
ASL	37.9326	38.533	38.9727	39.201	42.8452
RAB3GAP2	3.09381	3.0164	3.08789	3.40956	3.38835
SRCAP	5.72708	5.65661	5.00732	6.34165	5.52668
MTA1	47.4877	38.1262	47.1644	51.3457	41.6748
SLC9A4	0.0626351	0.0738922	0.0786489	0.0664818	0.0617214
NBN	10.3802	10.2081	9.13902	10.9458	10.7486
ALYREF	125.377	103.491	118.51	133.946	106.906
GNA12	6.7286	6.96749	7.7458	7.49031	7.21985
C17orf85	2.62246	2.43544	2.86328	2.93317	2.71656
NUDT5	102.419	88.6763	107.621	110.808	96.6244
CCDC122	1.01791	1.28119	1.09598	1.25083	0.913753
PSME2	94.4528	106.738	94.5776	106.458	105.321
ADCK5	21.5134	18.7937	19.7706	23.0547	20.4128
FAM216A	34.0093	31.4837	31.3534	31.7434	37.0407
CA7	0.0708875	0.0314561	0.0563907	0.0699502	0.058343
FLYWCH1	15.7251	15.9543	16.1894	18.0051	15.8206
BUD31	53.3322	58.4621	69.9485	68.6427	52.2108
SGMS2	2.5508	2.57016	2.75115	2.49182	2.98497
TSPO	382.55	354.599	431.789	397.252	399.755
ZNF362	1.99947	2.60625	2.3444	2.7669	2.29276
MTHFD1	32.8902	30.3593	31.6143	34.8773	33.0299
ZNF391	0.474274	0.527186	0.730125	0.594744	0.439326
EPRS	20.6217	16.3496	30.0719	27.5431	17.8205
ABCD4	11.8038	13.7965	15.7416	13.9724	13.7299
OLA1	40.0641	45.7341	50.0102	44.5783	48.287
NBPF10	0.229194	0.27028	0.160732	0.227581	0.289275
SLC35B3	6.46457	5.88363	8.51326	7.74753	6.50049
WASH5P	2.62174	2.97185	2.65751	3.06988	3.22133
RBM8A	21.4814	20.8939	24.3024	23.9692	20.7543
U2AF2	63.4004	59.9187	59.0201	68.3059	64.4016
PFKM	52.4828	52.5369	47.8534	53.5588	57.0147
LANCL1	4.16673	5.09687	4.8632	5.04542	5.27785
MTHFR	0.797333	0.853489	1.04427	1.0163	0.814232
GRK5	5.72341	6.2317	4.84828	5.67404	6.94219
QSOX2	19.7732	19.379	20.8741	22.1409	20.3351
UNG	23.7833	37.5346	23.5136	26.6787	40.7598
MVP_PAGR1	23.5036	30.8184	23.0672	26.1884	30.0689
TNFRSF13C	2.09073	1.73607	1.38068	2.48188	1.4563
NOP9	2.1628	2.77984	1.92132	2.40862	2.58803
ZNF507	1.4357	1.53745	1.35069	1.58461	1.62453
CMSS1	36.1837	36.8585	31.4166	40.5173	36.1351
HIF1A-AS2	8.83836	9.74034	9.30844	9.19263	10.4916
CHP1	42.2373	49.1413	42.0326	44.8677	49.554
SMARCD2	42.7694	44.9376	41.3875	48.0794	47.317
ARMC6	19.7586	18.5864	24.6283	21.7978	19.8217
TOB2	14.8869	13.1737	18.2256	17.0912	13.8916
HAT1	22.1676	23.1965	23.6193	26.6846	24.7682
GRIPAP1	11.4994	10.7826	10.9765	12.835	11.3384
CCNO	21.4413	13.0613	21.0552	22.2132	17.2131
STARD4-AS1	0.00778949	0.00563078	0.0246313	0.0195064	0.0211721
AHI1	1.83944	1.51059	1.62692	2.07134	1.81012
RASL11A	2.4214	4.04521	2.12413	2.82193	4.02061
PAPD5	1.66921	1.29155	1.50773	1.68169	1.5064
LAS1L	23.8932	25.3262	24.0505	26.9902	26.1145
C5orf42	0.180847	0.17919	0.17578	0.216048	0.183853
PPP5C	33.3253	28.2189	31.6028	37.1454	29.1412
FZD8	1.29797	2.53413	2.10571	2.08512	2.57956
SNRNP40	36.2969	31.8286	41.4464	39.0705	34.6947
PHF5A	52.2304	58.4135	73.1892	68.0704	53.4892
PSMA5	27.1907	26.3368	31.7175	30.9737	27.5328
RIF1	2.68312	1.97222	1.68255	2.64798	2.23692
KDELC1	4.02121	4.39867	4.14277	4.3481	4.62939
SLC25A22	22.4681	21.3123	18.926	24.5364	20.2067
TTC27	7.74566	7.15627	8.00145	7.98126	6.90352
ZC3HAV1L	1.68069	1.32792	2.38518	2.00229	1.79279
DNAL1	0.457037	0.592699	0.535233	0.529317	0.574204

HACL1	10.8591	11.2765	12.4271	13.0017	11.8826
NETO2	10.0572	12.3171	11.8714	11.5105	12.1485
ELP5	40.0648	45.3417	53.572	50.788	43.4048
IFT46	6.28792	7.1808	7.38938	7.87791	6.78695
TM4SF1	65.8965	70.4435	46.3185	55.9194	84.596
ARV1	4.8229	5.60319	7.81653	5.96023	6.07851
IFT122	3.15537	3.08078	2.50001	3.14919	3.0995
NIPA2	15.9869	16.2034	21.4946	19.0376	16.8842
NFE2L2	10.1108	8.94789	15.6831	12.5615	9.17169
NCLN	48.112	45.4797	49.7068	54.9367	46.2684
PCID2	25.208	30.1535	27.8838	29.4816	29.5392
FBXL5	7.29741	7.94414	8.13143	7.57714	9.10771
NAP1L4	48.0687	41.8992	50.282	53.7673	45.9766
LOC388906	0.27595	0.248081	0.2231	0.40681	0.230879
FBXO28	6.34894	6.25268	6.2699	6.9194	6.70225
EIF4E	16.27	15.7524	17.8159	17.5941	16.8864
SERTAD1	79.81	74.0408	79.4602	79.682	70.4271
AP5B1	6.09337	7.10868	7.94832	7.34194	7.23328
PIK3R4	2.36956	2.66653	2.43872	2.52351	2.75465
CDC23	7.59531	7.34664	7.78887	7.82626	7.92583
SPG11	3.65119	3.53782	3.80144	3.85984	4.15787
SLC38A10	20.7791	19.0689	26.404	25.4846	20.046
BCL2L12	37.0647	37.2544	43.599	45.8621	35.3953
SLC7A6OS	11.8931	10.3056	12.2125	12.6716	10.8123
RHPN2	5.3948	4.53656	4.20836	4.54664	5.82437
FIG4	4.80714	4.48557	4.8541	5.32148	5.28256
DCUN1D5	4.18287	3.70111	4.81843	4.18335	4.46093
LINC00526	1.0417	1.75127	1.72841	1.22777	2.36714
POLR3E	9.52316	7.69673	10.8973	10.4567	7.82346
ZNF20,ZNF625	1.94588	1.95314	1.79083	2.08483	2.22987
LINC00641	0.557951	0.786162	0.746603	0.800134	0.813541
UBE2D1	9.16531	10.0958	10.0962	9.64835	11.1366
RER1	33.1136	32.884	38.6311	38.0893	34.249
LOC146880	10.789	11.5636	10.919	12.9602	11.3979
LOC100129148	1.52229	2.38311	1.35745	1.8527	2.36159
TP53I3	10.792	12.046	15.2056	14.5295	11.3543
UBQLN4	25.912	28.1488	27.2528	29.8492	28.4194
MEIS2	2.55499	2.17012	2.7945	3.07166	2.58721
ARNT2	1.59616	1.87258	1.83379	1.92476	1.69999
ABHD2	2.60231	2.79372	2.36618	2.81385	2.91194
ANKRD33B	1.92365	1.496	1.28092	1.6256	1.95735
SKIV2L2	12.4874	10.2874	13.0243	13.1672	11.5875
TCTN2	1.5732	2.72869	1.518	2.02631	2.4564
AFAP1	1.16588	0.922918	1.13504	1.11667	1.03985
ZNF189	5.63138	4.82395	6.44015	5.97144	5.54985
PHYHIP	0.0960372	0.192915	0.158935	0.120274	0.191035
CCNI	49.2219	57.7224	62.0047	51.1769	71.019
CDC42BPG	0.0901125	0.0698103	0.127526	0.134728	0.0955371
RUVBL2	233.426	213.244	222.282	251.088	211.144
PPCDC	5.21153	5.08289	6.67817	6.37367	5.05607
RIPPLY1	0.027573	0.0380468	0.101737	0.0457616	0.0355658
ZC3H7B	9.7126	9.55398	9.9921	11.465	9.63678
LOC100132077	0.171564	0.126441	0.266318	0.301882	0.221778
DFFA	16.5451	18.4979	13.8766	15.2682	18.0701
FBXO27	0.111513	0.152533	0.0681707	0.11668	0.141152
NACC1	32.7732	31.9508	31.2293	36.6123	32.6188
ASAH1	22.1212	26.9591	25.914	25.2153	28.6765
NAA25	4.66728	4.33531	4.75152	4.83658	4.74424
C19orf66	8.16193	8.13585	8.39988	10.4414	6.8141
OR2D2	0	0	0.0417558	0	0.0448799
AKAP8	10.3231	11.623	10.3276	11.842	11.6802
CRNDE	13.6623	16.4036	22.7854	21.276	15.4038
ICMT	9.74159	11.7495	11.0043	11.6033	12.3125
PDCD5	181.61	159.329	181.062	195.506	175.118
THAP5	5.68626	4.51305	6.42163	6.27895	4.76406
ABAT	1.66159	1.35906	1.75062	1.81824	1.60763
BMS1	7.66809	8.26904	8.32004	8.907	8.6618
METTL3	13.4536	8.97573	15.3039	16.5012	9.50554
RYK	17.2917	17.3269	18.4393	18.8248	19.006
SLC25A16	2.03441	2.46407	2.63752	2.28723	2.73036
SNHG5	1119.53	1437.55	1258.59	1198.03	1317.18
CERS1	0.127145	0	0.1488	0.109399	0.114609
ZNF503	10.1753	7.08861	9.54384	10.4169	7.65116
SRSF11	32.4877	32.5938	31.9521	33.9281	34.995
COX19	2.92022	4.59853	3.63527	3.83124	4.11081
DYRK1B	1.11489	1.19134	1.01957	1.37652	1.06472
MRI1	11.151	12.5361	12.0759	12.1965	13.6074
TOP1	17.2348	17.0666	20.7979	20.5447	18.4319
RSAD1	28.6874	26.3503	32.1421	32.2566	26.786

EPHB2	8.68915	7.82482	8.04606	9.23782	8.02735
TMCC2	1.92657	1.78297	1.4484	2.11685	1.58678
GLUD1P3	0.238254	0.482166	0.241539	0.261032	0.497155
PSMD1	20.3256	20.0401	19.5263	22.909	20.875
TECPR2	0.65673	0.531743	0.869761	0.694578	0.664896
C9orf78	54.3629	62.2124	61.3212	64.0314	61.6405
MPHOSPH10	8.04549	9.31916	7.92688	8.91129	9.76835
PIK3AP1	1.963	1.70894	1.93843	2.25075	1.90249
ZXDB	4.41557	3.41587	5.21628	4.95512	3.74058
CROCCP3	0.361759	0.279093	0.374459	0.373806	0.397565
EPB41L4A	0.469315	1.09833	0.810416	0.720864	1.07497
ZNF776	0.790033	1.44545	1.41642	1.07369	1.63492
VPS28	292.692	311.118	328.368	317.965	299.266
NDST1	4.24913	4.09925	4.66854	4.6186	4.69264
MCOLN2	7.27367	5.9992	5.9177	7.4618	6.83756
DTX4	1.14518	1.80441	1.03692	1.2997	1.78473
GTF2IRD2B	0.104413	0.0515193	0.100162	0.0865565	0.0966651
DMTF1	3.52116	3.07474	3.89948	3.86222	3.5795
CENPB	38.0913	41.8412	42.1998	42.5407	41.4619
BRF2	10.0521	9.36944	12.0847	11.7963	9.71002
BOP1	67.0731	65.8448	75.4077	76.6969	66.0939
MIR17,MIR17HG,MIR18A,MIR19f	4.21026	4.66155	4.32547	5.14928	4.33939
UAP1	176.758	140.512	250.093	199.796	179.176
THG1L	19.9186	21.3026	23.4736	22.0352	21.8924
SLC5A6	15.526	17.266	17.6578	18.2216	16.9652
ZNF490	1.59822	1.63815	1.75908	1.73424	1.7835
BRCA1	3.7209	3.06746	4.17877	4.88372	3.33797
FGFR3	4.24528	5.5409	3.88506	4.67173	5.40726
ZNF615	0.94337	0.631011	0.678799	0.861515	0.752294
VCP	52.3291	62.2508	53.8278	58.303	64.1971
NR2F2	2.64488	2.88441	3.26636	2.98125	3.13261
ADRM1	145.149	132.751	144.466	159.845	129.705
TNFRSF10C	1.08989	2.09045	1.10831	1.19785	1.81278
DZANK1	0.170809	0.278791	0.22094	0.261443	0.2521
PLK1S1	5.153	5.09387	6.19242	5.53575	5.99137
NAA40	3.86134	4.24467	5.59885	5.32886	4.42092
STK17A	5.40306	6.87625	6.03567	5.75251	6.76356
MALAT1	72.0433	54.9586	54.9487	71.0745	61.0279
FTX	0.474073	0.494909	0.61839	0.472335	0.595642
NR2C2	1.22209	1.22423	1.55767	1.48598	1.33132
UPF1	21.3438	18.2448	23.2069	24.8767	17.6228
C2orf47	20.3595	16.1807	18.6939	20.569	18.119
PEX11A	2.67009	3.06181	2.8398	3.12611	3.13768
LOC284385	1.66194	2.30136	2.28529	2.07959	2.05679
ATP5F1	76.7572	78.8193	88.1266	83.8779	85.6955
CETN2	24.6947	30.908	23.6521	24.6049	35.8998
MKL2	0.978564	0.814579	1.1077	1.078	0.934921
C11orf74	9.27741	9.95408	10.325	10.8529	9.64575
CLCN7	38.3992	35.6222	42.3545	46.9291	35.0138
ULBP1	0.477781	0.718491	1.61667	1.38249	0.481087
CSNK2A1	37.7791	32.6896	41.8139	41.6049	34.7319
CLN8	2.24982	2.2241	2.1553	2.34102	2.22892
TMED3	85.8966	101.58	95.6695	86.6669	108.931
CCNL2	28.5762	32.8564	26.7665	33.1223	33.6203
NBEAL2	6.11305	5.59045	4.6677	6.44564	6.33638
MYC	280.535	196.513	330.663	301.069	234.237
SERPINE2	0.978206	1.40388	0.972312	1.33319	1.07937
TTC5	10.8919	8.79433	9.57442	11.2541	9.31839
RARS2	14.0525	15.2322	16.6077	16.432	16.4774
C22orf28	44.7876	46.9089	55.9249	52.9241	46.8063
PELP1	20.6612	19.5503	19.1055	22.4432	20.0545
DIRAS3	0.291852	0.259636	0.160037	0.276241	0.391013
WRAP73	25.7926	22.7157	27.3284	30.7052	22.811
C1orf56	4.11228	4.15728	4.24316	3.98634	4.26288
RARG	12.0518	9.22875	8.7888	10.7596	10.5297
PHF8	7.78087	7.30612	7.91681	8.81321	8.21217
GLO1	87.2938	103.83	105.313	97.1044	112.456
SACS	0.805378	0.841178	0.738292	0.938762	0.898989
PPP2R5E	4.00532	3.46845	4.5553	4.3737	4.34002
ZNF788	0.06993	0.0924808	0.0587384	0.0776037	0.0870016
C14orf169	8.57114	12.042	11.7337	10.8976	11.3919
NAP1L1	122.954	189.918	145.128	142.416	187.725
A1BG-AS1	0.165244	0.201784	0.182728	0.228348	0.218117
SLC37A2	0.321817	0.327356	0.261556	0.316257	0.363291
FXR2	46.7789	33.6401	49.3793	50.5463	36.4603
ELP6	22.138	23.6063	29.3576	25.784	25.8129
LYG1	2.91486	2.48101	2.83417	3.36842	2.26878
GMFG	0.352271	0.272906	0.304171	0.331309	0.31615
HMGB3	11.1995	11.8305	12.6962	13.5983	11.5525

DOM3Z	10.3701	9.62092	12.7481	12.8137	8.99646
PTCD3	11.1093	10.1465	10.3403	11.348	11.6036
CDV3	32.9423	34.4442	37.7879	36.2978	36.1946
SMARCA4	38.4173	34.3276	30.8285	41.3787	34.1934
RBM48	6.65596	7.88725	6.61564	7.27384	8.23731
TGS1	6.35479	6.41114	8.89319	7.95027	6.73328
NAGPA	6.67985	9.34366	7.81011	8.56919	8.23225
MROH1	21.3766	24.6212	22.1485	24.6417	22.5437
SUV420H1	4.7984	6.78349	4.57595	5.07913	6.82076
TRMT10C	18.3541	24.5743	24.9468	21.9798	26.3384
C10orf2	13.9362	19.7359	20.6027	16.8719	20.2476
CEP192	0.834117	0.856488	1.02576	0.922189	1.03028
SECISBP2	6.71539	7.34791	8.54035	8.52094	7.43778
C1RL-AS1	0.301801	0.308178	0.31819	0.404614	0.332358
TPCN1	4.55669	6.07307	5.05231	5.75223	5.59223
C1S	0.401413	0.480353	0.321845	0.487724	0.450016
VWA8	2.22281	1.86055	1.88427	2.26144	2.12765
ALAS1	31.216	26.1442	31.9208	35.5725	27.8276
DMRTA2	5.4783	5.68345	7.22545	6.82759	5.99292
ADRBK2	0.424972	0.393993	0.488443	0.508285	0.373813
PTPLAD1	25.9818	28.6565	30.0372	28.5691	31.5258
TCF7L2	4.06974	3.56032	4.0257	4.08182	3.86241
MAP4	22.1034	21.9009	20.5731	24.4099	22.179
GTF2H2B	1.22906	1.86085	2.37706	1.85654	1.93857
GPR180	1.62263	1.5888	1.79445	1.8566	1.7534
BACH1	2.45767	3.00038	2.30124	2.57339	3.22831
NUP107	17.8675	12.9378	15.532	19.564	14.626
TMPRSS9	0.0431059	0.0374056	0.0340689	0.0722573	0.0508671
RHPN1	31.8194	30.443	19.2107	32.9524	33.4998
HOXA-AS4	0.767246	0.63939	0.893692	0.852898	0.781418
MRPL24	99.2392	107.317	92.9137	107.575	106.39
ACTL6A	26.9044	24.4203	31.1136	30.2226	26.6938
TMEM220	0.116836	0.065331	0.056117	0.0732167	0.104578
DPY19L4	4.32142	4.00237	4.55527	4.49498	4.53626
PPTC7	0.89488	1.07713	1.29915	1.02109	1.15747
JMJD8	48.1292	56.9864	48.4564	53.6299	57.8887
DNAH3	0.00193434	0.00267389	0	0	0.00497275
MBD4	8.09111	7.8908	8.35447	9.98005	7.39516
FAM8A1	0.934455	1.56982	1.2734	1.1305	1.52968
SLCO5A1	2.36357	1.73491	2.14854	2.30928	2.04141
EHMT2	25.1235	22.6947	19.0534	25.9922	22.8822
DHRS4-AS1	1.89512	2.05152	2.67349	2.14693	2.38503
MIAT	0.0396658	0.0349549	0.0492411	0.0455079	0.0392028
TARDBP	16.0643	13.2948	18.5814	18.8491	14.3821
APPL1	3.85665	3.60617	3.89691	4.0846	4.2468
SCARNA7	23.5581	11.5583	16.4369	18.2515	13.5737
SGK223	2.84285	2.32719	2.4516	2.90203	2.6728
ETHE1	121.037	144.313	113.606	124.615	144.435
UBR7	9.44173	9.74993	8.56906	10.4471	11.3006
LOC257358	0.0495489	0	0.0461281	0.0206114	0.0162833
PMAIP1	3.22953	8.48382	15.4384	7.58953	8.49976
C11orf57	7.18998	8.94065	10.1514	8.53975	9.17306
ETNK1	4.80988	5.25348	5.25093	5.08486	5.90994
IFT140	4.85965	4.87849	4.30408	4.95167	6.00486
ZCCHC7	10.3407	8.04578	11.1081	11.1482	8.26371
PCSK6	5.34221	5.56007	6.16159	6.25533	5.82726
TRAPPC4	49.75	51.1356	50.697	57.9324	48.7869
RGS10	139.126	151.245	162.012	157.441	159.065
TBC1D8B	0.643451	0.708379	0.472867	0.474423	0.936111
PGLS	125.913	122.82	144.61	139.461	118.618
MEPCE	53.4622	48.6117	59.7283	63.0134	48.6196
ZNF721	4.17997	3.76754	3.30496	4.46929	3.9292
CARM1	47.5401	46.492	49.4286	53.2226	47.6036
HSPG2	1.73477	2.08833	1.00701	1.83633	2.15068
PRRT3-AS1	5.01401	5.89757	3.75509	5.66537	4.23525
PAQR3	3.79844	4.2315	4.85534	4.53967	4.83781
EMP3	130.431	187.155	124.597	134.401	177.101
REST	4.10153	3.5416	4.32213	4.35283	4.04328
KCNH3	0.666117	0.841035	0.588655	0.66201	0.866198
SCARNA16	1.22908	17.7	0	1.01585	16.1242
LEF1-AS1	0.431925	0.258979	0.453868	0.453575	0.23121
SIGMAR1	127.012	150.056	141.916	154.385	143.434
TAF2	5.50443	4.93715	5.47808	5.84369	5.92987
CD109	1.05732	1.38387	1.07407	1.24089	1.27772
GXYLT1	1.40953	1.39369	1.45073	1.52479	1.55115
XPC	10.3469	11.8268	11.0074	11.0559	12.8171
SETDB2	1.12098	0.933548	1.25365	1.26863	1.01243
ZNF830	11.7307	9.4685	13.0268	11.8552	10.4057
VRK1	13.3068	11.8278	12.5118	16.4522	11.3432

PDK4	0.211841	0.330381	0.127373	0.127413	0.446854
LOC100130557	0.405599	0.423685	0.686597	0.5824	0.47013
REV1	2.67635	2.57114	2.9583	2.89589	2.96944
WDFY2	4.45024	3.20978	3.49023	4.18995	3.66859
PRPF19	70.7386	84.3409	80.6952	83.1461	84.3492
LOC100289230	0.479914	0.51401	0.464222	0.53084	0.533937
ARL2,SNX15	172.27	165.952	168.713	176.756	172.42
FBXO32	1.60152	1.81741	1.55175	1.69562	2.04226
ZNF131	3.73612	2.87855	4.1463	4.08561	3.56621
BCL2L11	1.36292	3.13197	2.11777	2.15248	2.94967
EXOSC7	69.9427	65.3254	65.2385	71.7165	71.078
POMT2	3.06884	2.87194	2.83814	3.16493	2.96166
CIRBP	67.6112	133.441	95.4849	90.7178	129.91
RFXANK	38.0678	35.4076	41.3562	41.5824	39.6869
TMEM120B	7.08228	5.92716	6.4762	7.14741	6.56103
HAUS8	9.86686	9.58811	10.8941	11.5618	9.50423
ELF1	7.02229	6.26177	7.6331	7.04883	7.01459
ZBTB43	4.37103	3.88754	3.94871	4.29938	4.89861
FLJ44511	0.0453453	0.159024	0.0896379	0.0756055	0.110765
FES	0.480714	0.469264	0.349334	0.386225	0.424267
FTO	2.06411	2.03317	1.47767	1.85547	2.14653
NONO	148.182	151.71	169.049	172.395	158.302
DCAF12	9.20134	9.14711	10.2985	10.8667	9.49962
SHC2	14.7377	16.9409	18.5334	17.9003	17.3933
ZMAT2	28.7635	38.0838	28.9834	32.6649	35.8676
APOBEC3A,APOBEC3A_B,APOE	18.6786	16.0072	17.015	21.525	14.6514
CEP128	0.391943	0.375997	0.400092	0.538824	0.350394
MSL3	12.954	12.3308	15.7888	15.4197	12.8676
KGFLP2	0.098608	0.135366	0.202032	0.134685	0.149448
LINC00476	3.36179	3.18813	5.55987	4.35228	4.30704
FLYWCH2	31.3072	41.2385	41.2747	44.0707	35.564
BLOC1S5,EEF1E1,TXNDC5	95.4341	110.499	126.36	113.46	117.4
RAP1B	70.5757	78.0854	76.773	77.0882	83.4217
ABCG2	0.477413	0.417184	0.521986	0.438574	0.667251
TARSL2	2.75766	2.64708	3.01945	2.79901	3.35286
ZNF850	1.70561	1.31892	1.70732	1.97757	1.26762
SGPP2	0.235809	0.833085	0.585681	0.297297	0.965348
TATDN3	3.84157	4.29184	4.36165	3.72541	4.59576
SPATA12	0.0305073	0.10019	0.101245	0.0848486	0.0925203
TOM1L1	6.02345	5.19813	9.05111	7.00095	6.53522
SMN2	2.03255	2.12193	2.33201	1.98903	2.06415
SCO2,TYMP	55.6544	69.3273	72.6998	68.746	67.7456
SLC39A14	18.9812	18.7388	28.2075	25.2923	19.1979
GLRX2	18.3278	16.4637	19.5828	22.0381	15.7327
ETAA1	2.66948	2.98479	2.46552	2.90573	3.39282
HRH1	1.85491	1.40856	2.45887	2.50288	1.21284
SLC24A1	0.987175	1.0993	1.08925	1.22681	0.97641
CSPG5	1.13285	1.82498	0.791067	1.43385	1.63834
FKBP10	117.575	145.01	108.233	124.822	145.147
DUS2L	13.3685	11.8495	9.84239	13.5043	12.4276
CLEC18A	0.27105	0.211921	0.210516	0.42501	0.155136
ZWILCH	4.03444	3.21127	5.09041	4.72355	3.804
FBXW11	8.31123	7.37879	8.64634	9.12704	7.5699
NCKAP1	23.8231	24.0105	25.5637	26.3577	26.8425
GSDMD	48.2844	56.1524	41.9961	57.1288	51.6428
RARB	0.097283	0.0587435	0.0714225	0.0809864	0.0772468
XIST	7.19615	5.54348	6.12445	7.98081	6.17201
ZNF500	3.64543	4.14528	4.21861	4.38581	4.32114
CBWD3,CBWD5	2.62699	1.5732	1.90799	2.10711	2.31503
SYT11	0.0137128	0.0130435	0.0114335	0.0228315	0.0183351
GGNBP2	12.8646	11.8081	14.527	14.1935	13.3866
RAB33A	0.0939733	0.126474	0.188419	0.0520312	0.116283
CHD3	13.7598	13.3783	12.6631	15.518	13.2251
C14orf166	168.962	171.092	189.572	186.718	174.995
LRP4-AS1	0.333269	0.401081	0.297172	0.424672	0.290446
CPNE5	0.121774	0.0508017	0.0797241	0.109927	0.0465584
DDX12P	3.51254	3.65795	2.72595	4.02985	3.9084
CCT8	174.534	157.595	185.732	180.571	176.204
FAM183B	0.273293	0.488224	0.434177	0.38454	0.647247
SRPK1	24.7525	21.5928	26.9395	28.8335	22.4745
BNIP2	10.7398	10.503	11.8476	12.0295	11.3908
ERO1LB	1.48004	1.46908	1.44847	1.51894	1.44546
WIPI2	24.5833	28.1588	26.0748	28.5857	29.456
HLX	0.332549	0.217263	0.553173	0.411503	0.301333
ANKRD36BP1	0.0935824	0.103923	0.0652811	0.0513887	0.0851029
GRHL3	0.0218819	0.0193309	0	0	0
KDELC2	3.6193	4.05372	3.59187	3.7753	4.71099
LOC100129931	8.96146	9.7561	10.3162	10.4706	9.99826
TMEM206	9.43502	8.93848	11.6329	10.9506	9.91992

NIN	3.4491	3.30779	3.41856	3.86929	3.63201
B4GALT5	9.3986	9.05429	11.4024	11.0449	9.8554
MVB12A	63.0297	55.4016	68.6964	70.6192	53.7866
KIF16B	1.59962	1.11243	1.43003	1.54908	1.43945
RTN4IP1	3.33616	2.75699	3.26477	3.98237	2.97521
ANP32B	204.647	175.083	194.718	229.039	177.347
STYXL1	15.1879	15.6756	16.6561	16.9043	14.7534
MKNK2	44.7604	39.0464	63.0819	58.1584	39.5923
DHRS12	1.60799	2.60144	2.26507	1.88598	2.39801
USP10	26.8968	24.0663	26.9829	29.8853	25.9917
GPR114	2.29423	1.72414	2.25038	2.54961	2.08694
ZC2HC1C	0.223446	0.0982218	0.17816	0.241873	0.211836
EPS15L1	14.4943	13.2663	12.8732	16.4577	13.5478
NCBP1	11.1394	8.79816	13.1794	13.3786	9.49373
TRIM27	28.742	27.4877	39.8566	36.1683	27.2638
KANK1	2.46173	1.88744	2.43255	2.62495	2.14382
ZNF684	0.813861	0.921451	1.08891	1.01667	0.901635
CDK12	4.47892	4.26777	4.71802	4.74818	5.0523
FBXL6	51.8001	53.3966	50.9028	61.2391	53.6538
EIF1	591.665	599.144	961.174	774.249	567.355
TMC6	29.3743	32.3859	24.3551	30.1454	30.7369
ST3GAL2	3.4891	3.38083	3.94312	4.32568	3.49731
PMP22	29.689	33.318	24.3418	27.4844	35.7009
RANBP2	4.17651	3.68635	4.2185	4.96557	3.7489
HRSP12	47.4641	43.3712	49.521	47.9471	49.6211
NOC3L	8.97429	6.71309	8.97801	9.54851	8.29917
C9orf69	36.8281	36.1032	50.7964	46.1937	37.4496
JMJD1C	5.65183	4.71583	4.79871	5.92302	5.47344
EHBP1	2.84795	2.1359	2.24241	2.6569	2.80777
KIAA1644	0.0460536	0.0319711	0.0332036	0.0448834	0.0343964
DUS1L	53.6003	61.3061	56.4711	64.1488	61.3658
DUSP22	11.066	9.71492	14.9684	13.7953	9.48364
ZKSCAN5	3.74988	3.85535	5.04122	4.41732	3.93533
H0XB3	3.93961	3.05928	3.64138	4.13087	3.65337
ZMYND10	0.919515	0.619938	0.723508	0.873497	0.950199
C2orf50	0	0.0934202	0	0.0581244	0.0427782
UTP3	17.4069	23.0664	21.6796	19.8714	25.7546
SEPHS1	19.2272	19.9449	22.5179	22.8303	21.258
KTI12,TXNDC12	45.9929	64.4397	59.4838	58.3574	63.2412
TCF25	85.0358	90.5026	93.1781	97.4701	89.3294
HSPD1	407.616	362.494	418.046	441.461	410.043
LOC387723	0.738263	0.831329	1.05613	1.0614	0.959638
ILF3	60.6515	59.7369	61.5589	68.1015	62.1509
MRPS11	21.1334	24.4055	23.6095	24.2394	25.1557
CALCOCO1	8.48709	8.72768	8.78918	9.10459	9.94919
MIOS	6.47256	5.77108	7.2176	7.44891	6.67489
ZBTB47	1.75234	1.95268	1.49415	1.85921	1.96743
TMED8	0.300311	0.121898	0.327801	0.298022	0.302102
TMEM254	1.47193	1.77776	2.11061	1.95545	1.90382
FCF1	9.6941	10.41	10.564	10.4262	10.484
ACADVL	124.968	169.327	104.524	135.775	164.708
HADHB	65.8148	64.5842	66.6493	66.2367	73.8676
CLINT1	7.6916	7.16591	8.78532	8.34632	8.07172
PIGZ	0.665325	0.911533	0.812408	0.787154	0.988164
EIF5A	876.648	831.243	843.05	948.936	882.804
NIPAL3	6.35362	5.88579	6.03695	6.66836	6.24583
TNKS1BP1	10.3484	12.6422	9.68152	11.98	12.5901
DGKE	1.96901	1.35411	2.63226	2.48009	1.45486
MSANTD4	3.06184	3.36309	4.02756	3.44392	3.55911
EIF2D	25.5542	30.6991	28.7874	28.3041	31.5023
CSNK2A2	48.063	39.6067	55.967	55.0296	40.9365
PFDN2	300.125	181.932	306.136	322.913	201.365
NDUFA10	17.67	20.2789	18.3085	17.9089	22.4808
FASTKD1	10.0643	8.86185	9.49094	10.1815	10.5679
C9orf156	4.06997	5.6138	5.91719	5.08167	5.65828
WRAP53	17.9803	18.737	21.9671	21.9596	17.9526
FZD4	0.681257	1.05541	0.69506	0.761517	1.15182
SPECC1L	5.64252	5.43389	7.57038	7.27163	5.38195
NUDC	456.482	355.263	413.956	486.63	388.95
AGFG1	4.39403	3.64596	4.9992	4.71598	4.34507
RCBTB1	4.00749	4.10437	4.90894	5.24678	4.01717
MDFI	26.6998	22.9017	34.262	32.9389	23.3734
PRDX1	491.757	502.779	421.447	510.937	546.944
ZMYND15	1.66666	1.71301	1.64589	1.78484	1.61177
MAP4K4	7.73766	6.68843	7.57511	8.01715	7.6433
DR0SHA	4.1317	3.35743	3.99263	4.63943	3.70956
MFSD9	1.79608	1.80309	1.64153	1.68849	2.29605
CLDN15	13.976	10.7957	11.804	15.855	9.76713
FAM60A	28.4871	26.5607	33.378	31.3237	29.7026

GPCPD1	3.32314	3.0391	2.54345	3.35224	3.29528
MRPL9	68.6273	68.561	64.0559	74.0005	67.2723
HNRNPA3	43.9405	40.5333	40.3715	48.6931	45.5591
TIMM10B	6.58568	9.28344	8.57078	8.78738	8.41355
ATPAF2	10.6039	12.0686	9.07162	10.0315	12.6352
DLD	24.6144	23.2859	25.1603	26.5012	27.3149
LCA5L	0.1461	0.232985	0.22598	0.18313	0.198126
ATXN2	6.96566	3.87073	7.21957	7.70415	4.6985
ITPKC	5.9321	5.69362	6.14866	6.72765	5.63291
NDUFAF6	7.37679	10.0936	8.7658	9.33777	9.74883
RHBDF2	6.32022	5.54705	5.07914	6.72932	5.4853
ACAP2	3.54745	3.43938	3.69326	3.71667	3.97735
PNRC2	33.4808	33.1889	43.6175	38.0199	37.2831
SEC14L1	12.5592	13.9375	14.1084	14.1947	14.7105
CEP170	0	0	0.00359375	0	0.00390009
API5	23.2456	25.5816	23.8245	25.5006	28.793
GOLGA7	29.0998	32.215	31.3788	29.6787	35.1205
STEAP1	7.58696	10.1716	9.55722	9.35747	10.7533
CYFIP1	43.9922	41.1186	45.6956	47.7248	46.8504
GTF2B	13.6267	14.1627	19.2274	16.0802	15.2754
RFPL2	0.336949	0.282579	0.149909	0.236599	0.352617
ZC2HC1A	1.65792	1.66968	1.82743	1.95706	1.68485
ZC3H7A	4.17039	4.77706	5.23319	4.84188	5.20035
OSBPL7	3.78457	3.59103	2.70917	3.68151	4.40964
KATNAL2	0.118666	0.167709	0.116046	0.116046	0.100604
IFNGR2	36.5264	38.8581	42.9087	42.0918	41.4861
FOXRED1	25.973	24.6228	25.5482	30.1565	25.192
MTPN	30.6271	34.0416	32.5286	31.8894	38.893
HEMK1	5.00103	4.90551	4.84062	5.39803	4.86821
CHD2	6.15434	7.5172	6.15584	6.60133	7.6174
SORD	37.7678	42.9087	39.3243	40.2076	45.6536
PAK1IP1	12.2755	13.4491	15.2759	13.2144	15.6576
NRARP	33.1969	49.68	39.0211	42.0988	45.3947
TCOF1	29.8589	24.2712	25.8863	34.3793	25.2584
TAPT1-AS1	0.154138	0.129198	0.468245	0.278355	0.191088
SLC25A3	395.169	486.901	450.184	456.329	470.86
SRBD1	1.43306	0.742714	1.54483	1.53456	1.11236
STX1A	16.1412	21.9151	16.6399	19.662	20.611
NOC2L	74.775	68.3968	68.9942	84.0645	69.7966
MGAM	0.0205907	0.0536176	0.00856365	0.0229453	0.0361838
TTL	8.46242	9.89147	9.99555	10.4154	9.9957
LOC613037	5.16011	4.67047	4.52113	5.96177	4.98542
ZFP36L1	151.865	90.7844	145.464	157.718	108.439
UCP2	56.5545	62.9729	54.6714	68.4194	61.5933
RUSC1	26.2676	25.4998	23.8588	28.2151	26.3716
OSBP2	5.78793	5.50724	4.87909	6.10993	6.30729
FAHD1	13.0793	14.4764	14.2838	14.3252	15.2752
CCNB1	48.4623	46.0855	59.2184	60.158	44.3624
SMARCAL1	7.29216	7.41871	7.01958	7.56844	8.12433
FASTKD2	4.77625	5.33698	5.01611	5.13196	5.90406
EIF4EBP1	289.27	274.837	337.883	339.168	274.757
IRF9	2.3949	2.509	2.51128	3.12806	2.13764
NLRCS	1.05492	1.13791	0.896443	1.39665	1.08626
HSPA4	39.52	37.6611	42.5247	42.5148	41.9565
RFT1	7.64303	8.38201	7.98254	8.01981	8.60251
TMEM71	0.236801	0.701848	0.738197	0.733981	0.655533
TUG1	6.76841	6.68007	9.54455	8.77659	6.79828
MED7	7.12298	8.07621	7.87955	7.90162	7.90922
TP53BP1	3.02617	2.95262	2.78404	3.25508	3.28403
C7orf43	9.18636	9.86166	10.7278	12.6316	8.57491
FLJ27352	1.59772	0.848548	1.12325	1.23597	1.16979
STT3A	31.6679	34.9301	38.9524	39.1612	35.3903
ISG20L2	10.0943	14.4447	12.3467	13.2698	13.2564
LOC401321	1.9047	2.29793	2.80626	2.35179	2.43729
SOS2	1.67896	1.30182	1.75502	1.83377	1.34015
SLC38A7	1.80331	2.29849	1.88295	2.55899	2.02541
C17orf75	2.21787	1.88771	2.29636	2.29523	2.2412
TRAP1	173.822	170.279	172.275	186.373	179.731
PCDHA1,PCDHA10,PCDHA11,PC	0.103563	0.204769	0.12433	0.18084	0.134309
STX18	14.264	11.4341	16.6787	15.2831	13.1886
YAE1D1	8.6705	10.1787	12.0962	10.7307	9.71471
DIEXF	3.58827	3.82458	4.04467	3.88749	4.09836
FAR2	4.56826	2.06142	3.45706	4.27793	2.79325
MAPT	0.0165324	0.0151228	0.00675722	0.0275995	0.0139941
NSUN5	28.6078	24.4478	33.5738	33.5358	24.4509
TPK1	0.654744	0.631556	0.520982	0.668298	0.572742
MRPL46	22.6823	21.5862	25.4492	24.1272	24.3586
YWHAG	36.107	36.7468	37.9558	39.6756	38.6521
SNAPC5	7.95945	8.09032	7.75607	8.61067	8.38309

DTNB	14.2863	13.1794	13.094	14.4544	14.1907
TOMM40	102.606	104.215	107.189	119.224	100.773
DRG2	28.7656	23.9416	25.8037	29.9176	25.9853
POLR2F	31.7716	34.6604	32.7325	36.2133	33.091
DNAJC17	15.0679	15.9317	16.5552	15.9596	17.7147
HOXD-AS2	6.8016	5.40603	9.78858	8.51894	7.14088
CXorf56	8.51898	10.0291	9.69927	9.83699	9.40556
CAP2	4.60252	4.54987	3.78992	4.44826	5.8189
LOC100289511	0.153203	0.0702502	0.0622131	0.0421523	0
GTF2F2	25.0476	18.8893	27.5352	27.9655	21.263
CDK11A,CDK11B	17.5771	15.392	14.9675	19.93	16.0919
SNHG7,SNORA17,SNORA43	380.242	409.231	500.664	445.811	355.837
C16orf80	32.3991	34.1011	43.9788	39.2418	37.081
DENR	20.8494	18.375	22.6778	22.2259	21.5997
RPL23AP53	1.21925	1.62241	1.68553	1.54404	1.48766
TMEM218	1.83484	2.54034	2.41879	2.31572	2.53476
RWDD4	8.22727	9.62812	8.98364	9.36035	10.8894
NDUFS1	10.4194	9.64348	11.2818	12.5769	9.68971
MRPS21	353.493	326.472	372.76	401.131	318.198
ADSL	55.746	58.3201	68.1645	63.8927	61.2156
GFM1	6.62855	6.84337	7.92875	8.22555	7.481
ZNF32	20.9946	23.0829	26.3545	23.8711	24.7897
TICAM2,TMED7,TMED7-TICAM2	11.7252	13.9219	12.5681	11.9405	16.6761
AIFM1	37.8116	31.1219	32.6632	41.4025	33.0468
RAP2C	5.43713	6.72484	6.03692	6.11418	7.26733
EIF5AL1	3.19315	2.99051	3.01244	3.30753	2.97624
RSPRY1	2.2514	2.11038	2.37819	2.27474	2.44956
C1orf52	17.6001	15.2902	15.9317	17.4147	18.3468
SLC43A1	24.6506	22.4723	29.5975	31.8952	21.2148
PSMB7	235.371	226.532	273.127	271.955	231.244
RAB11B-AS1	3.34653	3.8266	3.99666	4.39796	4.02741
VMAC	0.78623	1.55455	0.962719	0.812883	1.63804
GEMIN5	5.46296	4.36962	5.92683	5.72444	4.96879
SBDS	43.145	45.5814	53.2747	48.4938	48.8922
TRIB3	32.225	27.2671	216.162	121.474	25.9492
LOC100132781	0.0201674	0	0.0389486	0.0168546	0.0291074
PWP2	19.6351	18.8866	22.9687	22.856	19.9782
ARFGAP2	22.6781	25.7942	26.1659	25.8856	25.8345
ADSSL1	1.37055	3.00678	1.53628	1.9218	2.69371
EIF3E	612.988	751.689	734.476	674.17	764.607
ARAP2	0.535712	0.432219	0.778958	0.610708	0.581449
ABI3BP	0.00946325	0.0410829	0.0119175	0.0315681	0.0193257
OSBPL8	3.81643	4.04141	3.25924	4.03851	4.20303
TTYH2	7.93101	8.83811	8.71165	8.68683	10.0389
SUGP1	14.5174	15.5153	15.7617	16.3602	16.221
ANK3	0.00291287	0	0	0	0.00317189
GCNT1	0.798408	1.09242	0.989445	1.08553	1.18899
GNAL	2.99665	3.6067	3.09228	3.35043	3.85615
MEI1	0.0224507	0.0307529	0	0.0124417	0.0188225
MYBBP1A	27.248	26.5906	24.7713	29.428	27.6646
TOPORS	2.09874	2.40871	2.556	2.27278	2.69713
NOP16	78.1989	83.7458	94.8218	89.7742	87.4005
C16orf88	6.30845	6.18807	5.70816	7.02507	5.79568
LOC100132273	1.33724	1.39742	1.1146	1.36531	1.49019
MT1X	2642.56	2184.37	1061.24	2154.66	2450.68
MTRF1L	6.94724	7.07693	8.03505	8.3905	7.61222
DNAJC30	8.52555	10.0256	11.5971	10.2968	10.2039
KIF3B	2.78314	2.93438	2.64264	3.17825	2.9734
TNS1	0.18086	0.108414	0.148847	0.207872	0.117777
ELF2	3.43764	3.86008	3.73564	3.80605	4.42496
ZKSCAN8	0.295433	0.232636	0.275549	0.26557	0.272305
DPH5	15.8979	17.7004	20.1233	18.478	18.0514
PSMD8	274.749	294.684	290.428	309.342	297.108
LOC100289092	5.80562	7.19154	7.2676	7.84093	6.27872
FANCB	0.339455	0.40221	0.34062	0.41892	0.432931
ENO3	4.73004	4.00218	4.12739	5.74486	3.98387
GUF1	7.68904	8.05143	7.77623	8.70478	8.9631
SLMAP	4.42987	4.03793	4.86146	5.20064	4.51711
RAB35	20.6443	20.0778	22.0485	23.0264	21.5618
UCN2	0.195112	0.0581301	0.105558	0.181764	0.13196
SH3KBP1	4.79397	5.19583	6.0131	5.77696	5.22835
MYO5B	1.04148	0.96658	0.861022	1.01802	0.948105
MRFAP1L1	29.1151	33.3529	36.2427	32.725	36.3207
RPL15	915.798	1387.02	1070.76	1019.44	1402.8
SLC16A9	3.29538	2.95892	3.07452	3.4654	3.59881
SGSM1	1.11867	0.850923	0.807423	0.911249	1.09145
SYCP2L	0.149167	0.211284	0.0929013	0.0859062	0.302119
DAP3	71.9012	83.214	83.0323	84.4902	84.4733
TACC1	2.90966	3.12049	3.19649	3.31772	3.61783

TCTE1	0.111738	0.0595314	0.107041	0.0744464	0.189475
AP3M2	4.02362	4.43166	5.70691	5.23631	4.80846
C1orf228	0.168561	0.332768	0.091235	0.247524	0.166749
PDCL3P4	0.230281	0.0973879	0.14313	0.114514	0.151653
TYW1	3.56703	3.37675	4.40237	4.38108	3.56096
MAPK6	6.60699	7.088	7.74058	7.08942	7.88518
ZNF77	1.84876	2.80327	2.32994	2.09487	3.12172
IDE	3.16651	3.45345	3.39751	3.77151	3.59295
DHX33	8.68928	8.03143	9.79753	10.0076	8.86621
SBNO2	16.9091	12.4279	15.1728	17.7166	13.9617
POLE2	4.90301	3.69236	5.27872	5.42583	5.1516
TMEM184A	5.02328	4.15893	4.50498	5.5966	3.71689
CUTC	16.1635	18.6166	14.2266	16.6099	19.2511
HNRNPA0	40.1011	47.214	54.4409	53.1706	45.8718
TSACC	0.543374	0.48483	0.665411	0.768845	0.454622
TPTE2P3	0	0	0.0111474	0	0.012162
GTF3A	92.7263	117.35	105.742	108.293	116.235
ZCCHC9	20.8297	17.6994	20.6341	21.3988	19.1981
PUS7	8.88317	7.43104	8.09382	8.05135	8.89678
TMCC1	1.16337	0.925679	1.09514	1.19848	1.04813
YPEL4	0.484332	0.526718	0.264645	0.332382	0.791856
APOL2	3.88472	4.06702	4.43935	4.7411	4.17615
PYCR1	164.263	173.009	222.546	206.261	176.905
EPB41L4A-AS1	59.7368	75.0612	88.1947	77.5992	68.0178
URI1	11.1669	10.9133	12.7438	12.8572	11.5546
TMCO4	5.69735	4.90859	5.39154	6.40437	4.67122
CLNS1A	88.1689	99.1231	105.806	96.1563	105.311
STK40	10.7504	8.8076	19.3129	15.4428	9.50476
CRIPAK	1.23357	1.26274	1.19439	1.47387	1.47604
UBA3	13.4054	14.5186	14.6525	14.59	17.133
ARMC8	3.36048	3.71059	3.33479	3.46342	4.19937
HSP90AB1	826.777	804.324	749.961	858.676	859.828
MIS18BP1	3.37968	2.78531	2.53534	3.76054	3.15481
BCAS2	19.8334	23.8308	22.3297	25.3134	23.3245
TOR1A	28.1051	36.66	39.0085	35.0182	35.7057
SLC23A2	1.08341	1.06476	0.919559	1.0417	1.25932
ARL5A	10.9648	10.7889	11.4673	10.6045	13.5658
TNRC18	5.7741	6.00225	7.90175	8.28951	6.03045
PABPC4	107.105	120.914	103.432	119.197	123.521
ANXA2	533.161	676.658	535.196	539.546	740.111
RPAP3	5.93191	4.17895	4.87017	5.83927	5.0552
MKI67IP	41.2903	43.3837	53.1052	48.3358	46.5409
SSX2IP	2.81115	2.8363	3.1587	3.195	3.32769
CCDC90B	17.8986	18.022	22.051	18.0333	20.3507
NFE2L3	3.2055	3.31781	3.37318	3.85437	3.55493
VDR	1.57389	1.65781	1.07821	1.70489	1.51767
TRAF7	31.5449	31.8184	31.5027	34.2896	34.4051
S100A14	0.390855	0.179605	0.351546	0.39086	0.335294
GGT3P	0.134483	0.1527	0.184221	0.128583	0.18471
TMA16	11.499	9.21609	12.2071	12.6401	10.8171
TXLNA	19.0224	18.0072	25.2833	23.4903	19.6022
PPA1	171.554	174.037	196.751	184.789	194.753
DAZAP1	100.281	88.2051	114.805	115.292	93.7595
C1orf43	128.316	143.742	148.436	146.464	143.484
TSTD3	0.637454	0.81335	0.964514	0.762506	0.687527
ZNF3	16.3739	18.9842	18.8403	18.7088	20.0374
CAMKK2	9.15527	9.60645	10.5675	10.8636	10.1402
ZNF324	3.46209	4.35752	5.44887	5.02037	4.41339
MTHFD2L	1.07867	0.834427	0.88883	1.1889	0.954482
FAM86C2P	0.738928	0.902865	1.14181	1.03614	0.987156
CCDC174	4.79093	4.17075	5.93333	5.83763	4.20387
LMF1	27.4008	23.9732	26.3081	28.3288	27.6923
MANEAL	10.786	10.0021	11.7557	12.0955	10.9462
SLC5A10	0.76156	0.717429	0.44707	0.69067	0.651354
MYH7B	0.0524133	0.0447646	0.0274933	0.0385148	0.027375
TMEM186	11.8158	12.8823	13.3475	14.5451	11.9795
ARFGEF2	1.73452	1.46109	1.68708	1.8298	1.68981
CNTD1	0.186886	0.200467	0.174479	0.149437	0.302541
NME6	13.2931	13.0141	13.7949	14.951	12.2667
FAM107B	5.48951	6.12253	9.20295	8.5037	6.43462
TSG101	31.8424	32.3147	35.333	33.8792	35.2579
STAT5B	7.70373	9.70893	6.69907	8.37979	9.38809
FZD6	6.49493	7.86573	9.70038	8.3408	8.78542
FBXO9	3.92975	5.3344	7.17407	5.61562	5.67349
EIF3B	70.8228	73.4918	73.2276	82.6457	75.6326
NEK4	2.88177	3.00369	3.27385	3.5753	3.19306
THAP6	1.90202	1.36661	1.9304	1.962	1.35811
CCRN4L	11.0989	11.0909	10.1575	10.3716	11.6403
MOB1A	23.8862	19.4718	21.4427	23.4943	23.6571

YWHAЕ	336.274	334.006	354.835	366.496	378.086
NUP160	6.27269	5.03434	6.51711	6.88486	5.62185
SMYD2	19.3432	18.3515	18.8437	17.6986	23.6742
RNF138	7.64637	6.81998	8.26681	7.75858	8.15222
KCNK15	0.0157075	0.0213393	0.152312	0.0262723	0.0976309
ACOT7	106.368	103.678	95.418	120.557	104.177
CUL5	2.00956	2.2626	2.07808	2.30598	2.43322
TMEM129	18.9076	24.9744	26.8215	25.8209	25.966
MRPL4	149.706	137.939	157.833	171.495	140.062
SBF2-AS1	2.24706	2.15992	2.67556	2.39875	2.09607
EVPL	5.57619	5.50955	4.20327	6.06449	5.49402
RPAP2	5.15209	3.90455	4.81162	5.29826	4.42876
PRIM1	11.7541	12.2751	14.2976	15.1652	12.9054
MFSД12	61.2007	72.12	72.7042	70.8974	71.8446
ATG9B	1.36597	1.22633	1.19501	1.43369	1.64648
MTMR7	0.954513	0.917673	1.0265	0.955492	1.02559
PLEKHM1	10.8616	10.784	10.3524	11.5097	11.515
GIPR	0.705277	0.89123	0.349894	0.935981	0.713855
RGS11	15.0271	14.0391	10.5326	16.169	15.1963
NOC4L	33.9152	31.6443	28.9236	36.2688	31.1559
BAK1	49.2966	43.0423	52.5427	54.689	44.0337
ZNF783	1.31691	2.44249	1.70384	1.5881	2.51167
SLC25A25	11.8888	14.8933	16.7622	14.3881	16.6568
SYCP2	0.0227136	0.0901446	0.00412002	0.0428562	0.0501503
STK32C	9.22659	7.59427	11.2664	9.89131	7.94561
SLC7A2	2.91592	2.75544	2.8425	3.09114	2.82018
R3HDM4	85.1037	73.8793	91.5363	95.9886	74.5581
USP36	8.60308	7.77007	8.96647	10.2221	8.26408
ZNF26	4.04511	4.25142	4.78665	4.52501	4.65704
RPRD1B	5.21818	6.40881	6.04719	6.23474	7.12785
ZSCAN5A	0.380514	0.605738	0.578109	0.582965	0.576675
COQ10B	17.0937	17.9964	17.9061	18.088	20.1157
WDR55	15.6591	20.3601	14.4471	17.376	19.8477
LTP1	1.41756	1.46881	1.53095	1.50436	1.65496
ZNF710	8.76574	6.34746	7.98536	10.0339	6.34802
DDX58	0.446704	0.504552	0.505794	0.554943	0.578013
FAM20A	0.00622703	0.00887277	0.0154969	0	0
CENPC1	2.56396	2.16183	1.92968	2.74468	2.36328
ALX3	1.46425	1.64942	1.49123	2.02157	1.54939
MAPRE1	23.3722	23.5699	25.9594	26.6444	26.0346
CHML	1.63222	1.50742	1.5786	1.84226	1.70748
PPARD	13.041	12.6899	9.33494	13.483	13.0213
BRAT1	22.2641	19.6342	22.6863	23.7474	22.3144
SNHG8	276.909	324.047	364.979	343.298	294.819
PPIL4	8.06254	6.81277	8.05974	8.50477	8.18996
AP2A2	11.4465	12.5979	12.9737	13.0549	12.6743
C2orf73	0	0	0.0136351	0	0.0149264
C21orf58	1.60934	1.73872	1.96525	2.61035	1.60074
MRPL30	15.558	16.003	16.9314	17.7064	16.4383
HERC2P7	3.67067	3.31909	3.67621	4.63574	3.32262
RFPL1	0.0189724	0.026444	0	0	0.0497367
MRPL38	94.055	89.3198	101.164	110.812	85.9078
LARS2	5.88189	5.15526	5.10167	6.07052	6.10929
GLIPR1	11.9057	12.6239	15.9909	14.6047	13.8328
IDI2-AS1	1.57857	0.807385	1.98752	2.08107	1.19983
HEXA-AS1	0.0656054	0.0527164	0.101238	0.120998	0.0403348
GATAD2A	15.6137	14.981	18.4203	18.8479	15.6113
SPATA20	31.8096	38.1356	30.6186	35.3753	38.8904
CLEC16A	2.54244	2.26138	2.406	3.05474	2.23458
SLC38A1	24.4263	21.8769	36.8766	34.1524	23.2018
TIMM44	25.5294	23.5322	32.3082	34.8103	23.3114
CCDC59	18.2678	19.2755	18.7818	21.8154	19.1713
AIG1	26.3316	23.4925	34.6111	32.0757	25.5355
MGC16275	1.80267	2.56318	2.28143	1.96527	2.61823
SOCS5	1.78453	1.55532	1.73436	1.75524	1.97581
ZSWIM7	7.86638	8.2433	9.31968	9.30188	7.92611
CRK	7.27385	7.13546	8.67916	8.7319	6.96055
CBY1	29.5944	30.5683	27.2858	31.4752	31.9562
MBNL1-AS1	0.0658133	0.161601	0.0921878	0.131084	0.105196
POLA2	8.72901	8.78338	9.50877	10.7769	9.74952
KATNB1	34.9814	36.79	32.9726	39.5247	39.2927
DRG1	54.2041	57.6481	57.334	60.9577	57.8338
FAM120B	3.10253	3.44774	2.93409	3.55461	3.58045
LRRC17	0.0607775	0.0582251	0.0765778	0.117951	0.0413328
ZNF584	5.49224	5.87512	6.36363	6.66163	6.50548
PSMA3	65.8844	63.8912	83.7113	77.0509	70.3086
CUL4A	17.0866	15.9626	18.6074	20.1176	17.301
HOXD9	8.70543	9.99729	9.76384	10.2749	9.66132
PCDHGA1,PCDHGA10,PCDHGA	5.03149	10.5145	4.82826	6.34801	10.0498

DHRS1	2.78514	2.5418	1.44077	2.38962	2.69885
MRPL45	44.6621	49.5897	55.6289	52.8758	48.9915
FAM199X	3.12479	3.0535	3.18761	3.48885	3.54125
FAM13A-AS1	0.246965	0.231928	0.152843	0.163231	0.40635
INPP5B	4.47843	4.82556	5.4634	5.6327	4.97702
HOXA10,HOXA9	21.8133	27.9217	30.9834	28.5056	28.321
NOL7	109.225	106.358	113.692	127.122	106.264
LYRM2	3.02964	4.00396	4.00853	3.75619	4.18695
HAUS2	8.86326	8.97068	10.0916	10.1581	10.2542
TMBIM6	243.302	252.865	290.561	293.451	260.927
CUL1	22.0951	19.7866	23.0732	24.5373	22.0823
MAP1LC3B	50.101	52.8351	88.0518	73.8883	55.0227
MSRB2	8.94722	10.0793	8.27476	10.2958	8.7805
FIS1	166.63	195.505	181.85	187.373	199.649
CDC37	259.627	237.784	239.018	287.54	236.055
NT5DC1	10.3589	9.57987	9.44377	10.236	10.7482
KBTBD6	1.07272	1.56535	1.08629	1.34027	1.48184
ARFRP1	15.77	13.6262	16.2613	18.5583	13.8517
DUSP28	2.30134	2.84685	3.10772	3.24901	3.49079
NARS2	7.21904	6.5864	6.75405	7.21375	8.42464
ASAP2	3.9334	3.26947	3.09939	3.80752	3.97998
ZBTB12	5.28635	4.28689	5.98222	5.74977	4.61852
LRTM2	0.0198406	0.0266304	0.0240509	0.0167071	0.0605376
MDN1	0.790661	0.648287	0.755944	0.91353	0.698862
DDX51	8.28786	8.66439	8.53682	10.0413	8.50286
RPSAP9	6.85606	10.4825	7.7203	7.78504	9.8479
GRHL1	0.461838	1.03469	1.00486	0.94483	0.949403
ZC3H13	1.02843	0.925178	0.79971	1.00543	1.1274
ADARB1	3.61414	3.81358	3.22664	3.91248	3.9327
C6orf48	296.734	336.292	340.685	367.319	294.848
CCT4	92.1395	95.129	108.458	106.58	99.6956
TESC	48.3423	41.0493	49.3447	55.6637	42.2356
POLR2K	44.4519	56.1908	56.8652	55.991	55.8918
NUP93	22.3336	19.1487	21.0419	24.4272	20.7277
EXOSC4	91.0526	97.4203	128.597	109.903	101.301
LINC00612	0.0133349	0.0194363	0.0338536	0	0.0731153
DDX49	32.6991	29.2924	37.3863	37.5942	29.902
UVSSA	1.47757	1.17952	0.888582	1.46283	1.29877
E2F4	49.7288	51.3496	52.3624	58.3765	50.48
PRPSAP2	20.4524	20.7863	19.9289	21.9589	22.8339
FAM210B	16.4683	25.1934	19.5007	20.1581	24.7081
PAQR8	1.55126	1.69389	1.96646	1.88001	1.65274
SPRYD3	26.9677	25.3529	25.0467	29.2973	28.0478
RPH3AL	3.1217	2.3068	3.46601	3.27944	2.81057
TCP1	85.5535	76.5494	97.4712	101.57	78.2243
SLC1A5	135.079	132.824	297.76	231.32	128.659
ACSF3	5.0074	3.94682	5.62417	5.98154	3.96904
FENDDR	0	0.0332056	0	0.0259866	0.0103148
ABCA3	11.8616	13.1014	12.3124	12.757	14.6128
RPRD2	2.86923	3.07248	3.21293	3.46469	3.30184
PMS1	3.84297	3.17285	3.99217	4.2002	3.51926
LILRA6	0.0384528	0.0448209	0.0316949	0.0107005	0.0584918
ELMOD2	2.47069	2.90156	2.7365	3.07582	2.98464
FERMT1	3.87727	4.56068	5.32111	5.11334	4.56734
NCOA3	1.35083	1.07313	1.23355	1.34076	1.28453
LOC100303749	0	0	0.0392902	0	0.0431404
RRP7A	24.0854	23.9277	25.3407	28.8631	22.7833
PRKAG1	34.6564	44.6619	44.0411	41.9544	44.3222
NID2	0.0637897	0.0368019	0.0718852	0.0888767	0.0340651
POLR3K	30.802	32.9159	33.554	35.1261	33.1901
NDUFAF4	8.57259	9.23143	10.2987	9.71592	9.96016
EEF2	2074.63	2481.43	2422.18	2444.35	2453.4
GALNT6	13.7774	12.5956	15.5511	16.7363	13.5382
KIAA1143	7.26205	8.12521	8.37678	8.29948	8.89322
FLJ37035	0.0860567	0.108881	0.0956379	0.127512	0.139531
ZNF696	5.17808	6.14721	6.87563	6.74453	6.58775
TIE1	0.0556012	0.0987106	0.0446264	0.0773252	0.124556
PRMT7	11.0173	11.2136	12.3362	12.6721	11.3874
EIF4G1	36.4564	35.5203	38.3984	41.2112	37.8971
HNRNPR	47.2859	44.8846	47.3853	52.7175	48.9324
NT5DC3	2.4503	2.72109	2.33015	2.45764	3.15592
LOC155060	3.96733	4.81902	2.80693	4.65201	4.81123
GABPB2	1.24876	0.860964	1.0732	1.31617	1.09054
ASF1A	4.0544	4.39928	5.41686	5.10689	4.72795
TSPYL1	16.9716	20.9016	20.9396	19.0192	23.3236
RP2	1.324	1.0609	1.30216	1.31396	1.48147
TSNARE1	4.07119	5.46844	5.01096	4.79501	5.98184
NCDN	7.74764	8.71294	11.7648	9.7037	9.88172
IMPDH2	240.256	338.347	272.92	278.646	324.08

ZSWIM3	0.996601	1.18483	1.36906	1.24762	1.10397
SLCO1B7	0.53414	0.209768	0.312411	0.466587	0.249739
ZNF573	0.145587	0.130422	0.142356	0.14912	0.214982
PCCB	83.1771	72.9279	78.1206	84.7184	81.3038
NME7	8.29318	8.76467	7.73104	9.04962	9.72405
HDDC2	34.4827	39.9108	37.9927	37.806	42.92
GTDC1	1.51423	1.14873	1.30644	1.33186	1.62228
SNX24	10.9153	7.86171	14.9373	12.9914	9.88626
CXXC4	0.0126132	0.0063358	0.00543276	0.00707554	0.0120264
ZNF567	1.89173	2.99094	2.52828	2.28385	3.12377
MCOLN3	4.49	4.33268	5.49973	5.73518	4.80801
BTBD11	0.477354	0.411101	0.294316	0.448635	0.428593
MPRIP	8.27083	8.24879	7.74973	9.08502	8.4675
NUDT4	14.5779	14.9596	16.5525	16.4856	17.0443
ZFC3H1	1.89195	1.35147	1.8924	2.40236	1.22725
NVL	6.25288	5.43031	6.56114	7.86444	5.08577
RSLD1	66.2617	67.4256	66.4637	73.5797	71.588
XIAP	2.20145	2.09651	2.31948	2.36094	2.28324
ELP4	11.3919	10.2994	10.7508	9.95255	14.0558
EXOSC2	27.8189	29.6863	31.584	31.9565	31.7093
LEPROTL1	9.65141	7.72179	11.8994	11.1035	9.18163
NINL	2.18509	1.93833	1.96462	2.41822	2.18247
TYW3	9.10841	10.1725	8.97215	9.3553	11.9402
NOP2	25.0102	28.7667	30.8264	31.8023	28.5015
IL15RA	15.1158	11.462	15.1967	17.2793	11.6825
ANK2	0.333452	0.382264	0.34431	0.433473	0.36985
NSF	6.0432	5.11127	6.41991	6.21625	6.63081
MRPL21	94.1526	97.7603	101.71	103.971	101.665
UMPS	4.40724	5.10725	4.87773	5.13611	5.30752
ADORA2B	28.0191	27.3985	34.7694	29.8367	33.6398
ICT1	44.5573	41.2538	49.1255	52.3751	42.9146
ELMO3	2.36825	2.29622	1.89635	2.40979	2.73013
MAPKAPK5	10.4533	9.66206	12.5862	12.2573	10.3759
METTL16	4.91418	4.28927	4.44821	4.50793	4.84171
KBTBD11	2.70589	3.23837	3.51042	3.53651	3.16046
TUBAL3	0.950501	0.802949	1.04456	1.14113	0.771283
PDGFA	6.05804	6.3246	5.64895	6.6891	5.891
UNC5CL	0.553469	0.774603	0.582923	0.831963	0.618903
CCBL2,RBMLX1	12.523	14.4509	16.884	15.3506	16.1849
MEMO1	27.0233	21.6284	29.9257	27.5159	24.9011
PPAT	7.03435	6.44259	8.28669	8.05623	7.48868
APLN	3.81463	6.69943	2.43019	3.32622	7.34299
MYSM1	1.77024	1.40848	1.39274	1.78367	1.53162
OXLD1	35.095	46.1134	52.2623	48.8915	47.7996
ZC3H14	9.23883	7.50098	9.73063	10.1421	8.52023
CDC42SE1	27.7179	28.962	36.6915	34.4922	30.6736
PBX3	25.5588	18.4437	17.9664	23.5726	19.8281
LOC100506190	9.2308	12.4218	12.0252	10.7481	11.7711
BBS5	0.656241	0.604406	0.701845	0.835048	0.560228
MAPKAPK3	65.5879	61.3936	67.6937	72.1317	64.5876
FAR1	5.93652	5.22041	7.22097	7.40769	5.98437
WWC1	7.62125	6.23759	7.88538	8.53207	6.54823
TANGO6	2.52735	2.20097	2.85123	3.0209	2.77763
EIF3D	173.777	189.746	232.605	206.868	197.351
MPV17L2	9.90633	14.5176	14.5926	13.9966	13.5879
IFITM4P	0.519609	0	0	0.567977	0
COX6B1	361.805	385.71	332.262	355.226	427.87
LOC100506668	3.5226	4.29065	4.05856	3.77133	4.79644
DYNLT3	4.8559	5.01783	5.55913	5.39901	5.75129
DNMT1	20.7487	16.1071	18.8002	24.37	17.849
C6orf70	6.71472	6.61069	8.27944	8.00623	7.21296
FTL	8425.59	10887.9	8069.6	9509.32	10155.4
C1orf53	1.8361	2.25802	1.57554	2.2915	1.81564
DMBX1	2.10804	1.53474	1.65421	2.92146	1.36619
SNRPA	142.8	106.636	144.91	152.045	129.099
EIF2B1	11.2645	13.5386	12.3799	13.5201	13.7511
SLC25A14	5.31056	5.11236	6.03774	5.93418	5.9072
SLC35A2	12.8236	13.3806	18.1352	17.1503	13.9774
ZNF440	2.63615	3.13154	2.28901	2.99199	3.13525
ERLIN2	4.31138	4.2504	4.22604	4.64246	5.40717
BCS1L	24.7723	23.1254	26.8491	28.1651	25.7168
EFCAB11	12.3291	11.4548	9.73528	12.3426	11.1904
SLC25A21	1.02487	0.823648	1.1046	1.16105	0.92948
KHSRP	56.1797	54.4146	63.2762	71.1221	57.6595
SESN2	20.8701	24.1256	89.5011	51.9586	25.9209
FLAD1	24.4525	30.927	30.0599	31.9551	28.7747
ZNF71	3.6131	4.0658	3.77863	3.78038	4.69307
SNX10	9.99759	10.88	9.83636	10.1004	12.8564
SIRT5	3.90107	4.13118	4.99511	4.7147	4.56436

LAP3	25.377	22.7471	25.7687	26.3051	27.0608
SLC30A9	13.5282	14.7722	14.9032	14.3361	17.3457
ALDH2	64.4998	50.6023	67.2011	69.6625	58.7151
WDR18	89.07	75.3601	77.8341	93.5473	83.402
MTHFS,ST20,ST20-MTHFS	14.1782	15.4056	18.1604	15.6399	15.2484
ANGEL2	4.23234	4.76892	5.69475	5.72273	4.75325
IFIT5	2.3754	2.84418	3.16138	2.92717	2.88831
DDX31	14.6417	13.4547	16.2277	16.39	15.0978
CDKN2AIPNL	26.3709	27.8877	34.6137	31.9693	30.4648
AMACR,C1QTNF3	1.54388	2.7376	1.84934	1.88245	2.70081
MRPS25	12.0177	11.0225	12.5435	13.9526	11.6458
CCDC17	0.292874	0.229184	0.226635	0.314095	0.298347
PPP1R37	11.169	10.3737	11.4982	12.8845	10.6653
FAM49A	0.0134804	0.0262784	0.0227434	0.037441	0.0311948
C2CD3	0.277186	0.266745	0.26746	0.339279	0.32504
ZNF217	1.76637	1.57932	2.1287	2.00421	1.96571
RNF207	2.7582	1.81856	1.87098	3.2501	2.13572
NAT10	32.5303	30.3296	26.2459	33.9798	32.364
CAMKK1	4.99315	6.70696	4.39321	5.73487	6.80845
SF3B4	49.4781	60.7972	60.9647	62.2845	60.0667
CCDC14	6.04596	5.15279	4.46686	7.2583	5.26434
GABPB1-AS1	0.717223	1.54649	1.40286	1.24579	1.27498
DDX56	32.6852	38.4543	35.7057	40.6028	37.1278
ACSS1	0.933118	1.23988	1.15009	1.49489	0.974841
PRPF31	44.3566	52.1361	40.1772	51.7728	49.9928
GPATCH4	18.5455	19.1104	20.978	22.8692	19.0614
FAM45B	0.0275416	0.0265682	0.0579093	0.0152897	0.0752555
SLC25A53	0.00487466	0.0284896	0.00619368	0.0245898	0.0100673
TFR2	17.146	16.38	18.0296	20.9395	15.1613
PDCD11	8.43554	7.76304	11.3469	10.4071	8.57722
ZNF781	0.0761572	0.0187441	0.105439	0.105596	0.0803331
AP3D1	15.0581	14.3884	14.177	17.7511	14.5224
ZNF28	1.16498	1.45639	1.37254	1.34687	1.55787
TSR1	21.7403	19.8492	20.5513	23.5652	22.3926
IK	19.7432	21.2221	18.2525	23.3375	21.9298
ZNF766	3.36504	4.62677	4.33416	4.09612	5.23826
TRIT1	14.1209	13.6038	15.6919	16.0622	15.0497
AMER1	0.511425	0.689994	0.491486	0.57361	0.701407
PSMC3	68.6991	74.7278	75.1431	82.8394	73.953
NQO2	97.2178	90.1803	94.1863	109.167	93.403
SLC30A5	5.58633	4.90606	5.92883	6.02834	6.06584
TMC5	1.50949	1.22838	1.65542	1.88198	1.34751
TF	0.0370473	0.0127731	0	0.030914	0.0238391
IBA57	1.47283	1.66904	1.49147	1.58857	1.85037
FUNDC1	12.2001	12.9016	12.174	12.2228	14.7682
LUC7L3	18.8886	11.9895	24.5969	23.2186	12.656
HPS3	3.34496	3.07336	2.56966	3.29736	3.75534
C21orf33	67.2581	68.4432	74.0501	74.0588	78.8329
TXLNG	11.0722	10.6757	13.7752	14.064	11.7147
CMAS	18.0025	14.314	17.5986	18.6395	17.1703
RBM25	12.4034	11.5162	11.1732	13.9072	13.7207
TNKS2	3.42891	3.25191	3.25698	3.79176	3.53364
ZNF589	4.44052	3.61397	5.72448	5.69183	3.78938
LACE1	1.11116	0.875649	1.01526	1.35032	0.90642
RMND5A	4.32818	4.12127	4.52803	4.64084	4.52716
TMEM138	12.7153	12.6582	19.6599	17.8339	12.1292
POLR1C	44.736	54.3313	56.6881	51.9232	57.4285
SHPRH	0.76413	0.680379	0.656813	0.879001	0.682388
NSUN2	21.8103	20.2321	26.1476	25.9274	23.2226
C12orf66	0.776299	1.14992	0.932226	0.932016	1.06799
ELAC2	26.2251	26.1105	28.982	30.1739	27.7713
LOC646214	0.184582	0.199979	0.270951	0.287657	0.250172
B9D2	5.77278	9.09317	5.39417	6.0259	8.56331
UBP1	14.499	13.9481	17.6552	17.4414	15.2508
CSNK1A1	26.4932	28.7683	32.0587	31.8062	30.7275
NEDD9	0.00603838	0.0516492	0.00754132	0	0.0720504
LOC100130015	3.42444	3.60891	3.56719	4.27217	3.95041
SERPINB6	93.0289	108.437	100.1	108.724	112.128
EZR	56.9678	60.1675	81.9952	73.3749	65.9736
KIFAP3	1.91402	1.93234	1.73569	2.26134	2.03493
NOP14	22.4784	22.9282	23.4611	25.9256	25.4416
ZNF121	1.22614	1.06375	1.20914	1.07044	1.27708
FLVCR1	2.93074	2.55775	3.102	3.28493	2.93425
ZNF17	1.04971	1.43433	1.00561	1.08675	1.7254
ZNF526	3.90776	3.41222	3.89018	4.06443	3.72202
WHAMMP1	0.984213	0.670189	0.636835	0.651772	1.19938
RCL1	10.5742	12.5702	11.335	11.258	13.9782
FABP3	0.0703015	0.0656495	0.0573169	0.0387571	0.091397
ERI2	3.01679	3.13554	3.92038	3.72469	3.34574

TMEM236	0.06696	0.0499241	0.042815	0.0770617	0.053611
SP110	1.29928	1.31829	1.89973	1.68666	1.65882
FAM207A	88.6398	77.8686	91.7326	98.9245	79.268
GALNT12	9.27213	8.9849	7.29512	9.84953	10.1674
RPUSD2	12.0208	17.3999	17.901	15.878	18.6864
MIR22.MIR22HG	0.892341	4.99283	3.47195	1.94808	5.40377
DCK	5.12316	5.25861	5.50667	6.079	6.24263
BAG2	19.8208	18.4754	23.2127	22.7095	21.9158
AGBL3	0.0638785	0.0419231	0.123628	0.105728	0.0952757
EXOSC8	28.9585	26.5508	41.0871	41.2081	26.3707
SLC41A3	16.9568	17.9986	20.229	21.8238	16.0711
RGS20	0.0152604	0.0869324	0.076151	0	0.142767
GPD1L	2.89099	2.67205	3.28631	3.26981	3.23863
SEC22C	6.31575	7.44518	8.04335	7.50858	8.08446
LAMC2	0.123954	0.121008	0.100126	0.120815	0.153841
TBC1D7	5.4406	4.44779	7.01152	6.0732	5.94991
HNRNPA2B1	149.049	128.103	154.65	179.462	142.993
ACADSB	2.27633	2.21064	2.31056	2.46889	2.64126
DRP2	0.0177461	0.034886	0.030867	0.0355574	0.0184431
HNRNPF	99.7587	93.7678	121.095	120.676	103.998
TBXAS1	0.150912	0.302367	0.234732	0.365018	0.175752
SURF1	35.2737	47.6156	40.7974	43.9628	43.3923
CDC42BPA	2.05958	2.0293	2.53544	2.67623	2.11796
GCN1L1	15.6995	13.4598	14.487	17.61	14.45
SLC9B2	6.15404	5.72247	8.46899	6.94636	7.29109
GNL2	28.9702	25.396	31.5063	33.9947	28.8737
LOC730101	1.38903	1.34049	1.74571	1.92378	1.25021
NUP88	22.8025	16.4295	30.2083	28.3744	19.4177
PRKXP1	0.0949796	0.0862319	0.161476	0.127936	0.080534
OSGEP	27.9802	24.228	30.2543	33.6914	27.1858
SP8	0.311726	0.407019	0.294623	0.457805	0.45997
CBLL1	5.53438	5.11782	7.00865	6.73975	5.66345
REP15	0.689197	0.640803	0.853907	0.854257	0.866447
UCHL3	45.6994	41.2173	49.315	48.4293	45.4364
SURF2	73.0932	65.1226	78.5395	83.4397	68.4116
MB21D2	1.60021	1.86974	1.55215	1.51782	2.24688
SMG9	38.4209	29.7217	38.4815	43.2694	31.8066
UGDH-AS1	2.66588	2.77221	2.35792	3.41988	2.91171
SCAND3	0.5351	0.384544	0.56764	0.612616	0.458589
SNORA49	0	4.68037	4.05936	0	9.67071
SKI	8.27521	8.83629	8.62918	9.79137	9.95355
LOC728537	1.15579	1.23277	0.715498	1.28894	1.17991
FLJ39051	1.73819	1.72671	2.08	1.81965	2.36982
HCG18	1.03178	1.28633	1.48223	1.3662	1.23735
C3orf62	2.32832	2.58579	2.48025	2.80057	2.56028
DCTD	52.4875	58.6813	58.5685	58.4986	63.369
EFR3A	4.15245	4.26767	5.49044	5.29277	4.63127
VPS33A	6.77428	6.81681	8.19223	8.93664	7.32377
RPTOR	5.53313	6.13384	5.44228	6.75208	6.4176
FER1L5	0.021077	0.0171571	0.0410219	0.02106	0.0367182
TWISTNB	4.1697	5.03174	4.92053	5.30657	5.58291
GFAP	0.0559558	0	0.0123775	0	0.0377284
THAP7-AS1	1.84326	4.24789	2.21655	3.27085	3.07656
TNFRSF21	2.83958	3.62458	3.14483	3.71707	3.56249
WDR53	2.60877	2.72606	2.4807	3.0148	2.70259
INTS10	23.801	22.256	26.2727	26.9152	23.7549
AKIP1	22.362	19.4468	24.3527	26.7002	21.248
DUSP5	139.203	50.7438	153.577	159.245	51.3568
BCDIN3D	1.43062	1.89647	2.63146	2.09902	1.83316
LRRC8B	1.3798	1.22958	1.6812	1.79688	1.31499
NPRL3	44.2619	38.2848	44.8123	51.4434	37.7723
C6orf211	4.7713	4.72832	4.97333	5.06539	5.28731
SOBP	0.542291	0.57688	0.497711	0.643269	0.566518
COG8.PDF	23.0354	23.4674	34.3467	31.568	24.5752
APOBEC3D	0.195117	0.101901	0.148888	0.162231	0.158074
FANCF	3.53522	4.25635	4.24716	4.58113	4.26137
MB21D1	4.10045	3.73059	4.37205	5.08461	3.16207
KIAA1033	2.74657	2.33771	2.04123	2.6339	2.92838
PSMG1	65.0513	55.7352	78.3036	81.7547	60.0229
PDE6D	10.1204	8.11697	10.5783	11.0041	10.2224
BCAP29	8.06444	9.6384	8.69401	8.99665	10.8918
PLAA	7.91041	6.31075	9.04466	9.52407	6.57479
TRIM23	2.07178	1.36542	1.75788	2.1652	1.72772
DIS3	5.91316	5.67538	6.79095	6.90657	6.10607
CHSY1	3.96461	3.09611	3.81891	4.43242	3.33706
STPG1	6.52872	4.79644	5.37346	7.39999	4.61925
PCDH12	0.0109227	0.0148004	0.0265443	0.0181187	0.0204298
CTU2	17.1381	16.9334	18.1363	19.7501	17.082
ESRRA	55.4008	50.1577	60.6081	64.397	51.3694

TTC19	18.6606	21.8041	22.6005	22.224	22.238
RAB18	9.23647	9.08061	10.7542	10.3806	10.0116
CNOT10	13.0627	11.7187	13.5869	15.252	12.6816
RMDN3	14.4091	15.3619	15.0006	17.3211	16.7089
DVL1	76.6822	66.1918	72.302	79.9218	70.6354
BTBD2	68.6866	80.5327	67.6899	73.4265	84.4986
PIEZO1	19.6492	20.6399	16.6928	22.0573	20.9014
CLUH	34.4771	27.837	32.6601	38.7141	31.126
C19orf55	1.24797	1.60958	1.38283	1.67379	1.60462
ODF2L	3.47965	3.15295	2.67292	4.02255	3.49163
GABPB1	6.57501	6.5537	7.87632	7.47027	7.31852
SUMF2	54.4385	67.4449	67.1457	66.6507	68.0519
LAMB1	16.719	16.5182	14.9104	18.0244	17.8433
USP45	1.2866	1.11999	1.10983	1.36044	1.16641
TPRG1L	13.6203	20.1428	15.5945	16.4942	19.6134
CCNT1	3.58002	3.5552	4.21098	4.18979	3.70596
DDX42	16.1788	15.3552	18.3184	19.8436	16.0435
ABL2	16.3958	15.6907	18.543	16.7377	17.2157
CDKN2B	2.81691	3.42573	2.81392	3.20895	2.92926
PHF14	4.66734	3.747	3.60407	4.7258	3.57552
TATDN1	50.9264	53.6607	60.7498	59.0888	53.5727
LRRRC47	29.9345	30.767	30.3212	34.8884	32.2036
NPRL2	15.7692	21.0373	16.1297	20.0547	21.0983
ANKK1	0.155291	0.120172	0.296451	0.281032	0.125058
FAM185A	1.69545	1.69038	2.06825	2.05578	1.68841
LARP1	25.3791	22.5014	25.667	30.056	23.1193
C11orf95	4.88507	5.14283	4.86184	5.79044	5.02716
PSMD12	30.8038	29.4429	30.9196	33.8633	35.3368
XRCC5	69.6034	72.3862	76.7563	83.7119	77.1644
LOC100288637	1.39715	1.00115	1.25376	1.7076	1.00677
LOXL1	4.56375	6.39009	5.39292	4.83504	7.51507
C9orf131	0.0645687	0.0110452	0.0279532	0.0936579	0.0206077
LOC149134	1.2951	1.25368	1.46025	1.43888	1.26691
WDR12	14.7395	13.5081	15.1408	16.607	14.6489
GSS	64.0407	58.2613	67.1359	71.8452	65.1045
POGLUT1	2.36931	3.04767	3.42836	3.14822	3.01909
NT5M	7.94998	9.63964	8.6592	8.63427	9.70022
PXK	1.63002	1.71894	2.07213	2.25666	2.16006
MXD4	22.5102	25.7306	28.4354	23.6584	31.3609
ZNF780B	0.793145	0.524181	0.80274	0.999371	0.572064
MSRA	8.07083	9.64265	9.53113	10.2234	8.70283
C1orf74	1.27243	1.8349	1.85473	1.62792	1.9363
C15orf41	2.1818	1.9271	2.05689	2.54583	2.11088
S100A6	2002.34	2536.05	2026.55	2173.13	2554.11
MPZL3	0.251732	0.155526	0.138263	0.324463	0.179977
ZNF605	1.47136	1.19121	1.76584	1.80168	1.37163
SRSF8	4.51111	6.41395	7.47591	5.94917	7.33381
GATM-AS1	0.038509	0.110691	0.0716496	0.0639721	0.0783795
PIH1D2	0.955767	1.24823	1.11652	1.21016	1.23074
POLM	7.16849	6.53505	5.77894	7.87082	6.77727
VPS36	3.88379	4.26378	4.42084	4.41121	4.25286
LOC728730	0.50478	0.551378	0.33796	0.440468	0.64277
C8orf33	30.6098	40.1298	32.5432	35.8494	41.5868
C1orf216	6.26784	6.82222	9.7272	8.47297	7.59573
MKLN1	5.60654	5.76037	5.16286	5.93511	6.62588
TMEM106A	0.611115	0.695399	0.550575	0.559314	0.775719
PPP1CB	19.6916	20.1554	19.1993	19.1514	24.6005
RASD2	0.906573	1.63075	0.662236	1.18428	1.735
LBX2	4.88323	6.54034	6.79165	8.08342	4.67082
UTP20	1.62529	1.47986	1.63739	1.887	1.55072
GPR83	0.126029	0.21989	0.150276	0.16257	0.213157
COL5A2	0.0260026	0.0229298	0.0362207	0.0323911	0.00432866
PCNXL3	6.64526	7.01831	7.9396	8.95975	6.72386
RBM43	1.05023	1.64134	1.24605	1.09396	1.85133
SETD8	15.6048	15.439	22.3591	22.2233	16.5761
FASTKD3	7.13516	9.61911	9.44759	9.81309	9.18115
RP1L1	0.0325506	0.00525041	0.0145209	0.0200732	0.0097836
UNC50	22.75	19.9297	32.2988	30.8647	18.6709
NACC2	8.34956	6.407	8.67414	9.69956	7.50793
UQCC	19.8504	17.8318	18.2817	20.8277	19.0557
MNT	6.78559	6.21538	5.90969	6.68542	8.01354
ATAT1	1.21032	2.05572	1.33408	2.02866	1.72913
ATF6	6.22672	6.82364	7.9493	8.0841	7.25519
DHX57	2.856	3.34944	2.8401	3.15683	3.70514
MFAP1	17.1908	15.5321	17.1193	18.7951	17.8648
CCDC137	21.7207	25.0214	25.2077	28.8799	24.0513
DDX19A	10.139	10.9537	12.114	11.8495	12.1663
ACCS	1.40558	1.88287	1.57496	2.16866	1.53368
ZFP69B	0.776916	0.812001	1.48787	1.28422	0.826602

EOGT	4.32094	3.8672	4.53614	4.86	4.86819
DUSP6	15.505	10.462	24.8529	18.2127	14.7873
AHCTF1P1	0.011098	0.00325525	0.0028301	0.00370159	0.015371
PNPLA3	0.752434	0.861328	0.748197	0.748789	1.07332
PPP1R16A	38.9269	32.6778	37.3394	46.2145	39.9553
LOC100505715	0.257165	0.175684	0.176362	0.115646	0.29439
AKR7L	1.64709	2.5399	1.50464	2.02154	2.63036
ADAT3,SCAMP4	34.8132	33.7606	39.476	39.7798	38.0817
ERRF1	78.8443	36.2191	69.2604	72.5766	34.8738
BBS10	1.9602	2.00882	2.63979	2.40693	2.37138
MRPS17	58.0823	62.854	64.0724	65.8388	62.3573
CHD1L	33.2207	31.0489	27.6205	34.1484	35.9403
LAG3	0.0437772	0.207949	0.0264677	0.109929	0.0819946
NEK9	4.85065	5.73491	5.9833	6.21829	5.975
SEC63	4.91992	5.59465	4.87055	5.73818	6.06644
ZNF786	2.84088	3.50593	3.12811	3.18442	3.81551
GLTSCR1L	0.657388	0.582835	0.70239	0.851179	0.543805
CYB561	11.1533	12.7996	12.3942	13.8275	12.9101
BRD3	7.65279	7.34096	8.36686	9.0046	7.99077
AKIRIN2	14.9199	15.141	20.9616	20.3283	15.0922
DOCK3	0.0401669	0.032222	0.0497191	0.0574144	0.052445
CTAGE5	3.7285	3.53977	6.32234	5.82876	3.53626
HIRA	5.80095	5.34587	8.02884	8.12123	5.521
NDUFAF1	14.4522	11.9947	13.9349	16.0928	13.6988
XYLB	1.85334	1.31993	1.89025	2.1868	1.65305
CYLD	1.77397	1.69574	2.21123	2.06478	2.06084
ST3GAL3	2.87954	3.41813	3.41658	3.41435	3.76503
LOC729013	5.72678	5.63077	8.10464	5.85985	7.40961
HGF	2.97557	3.58381	3.20832	4.27487	2.70452
MRPL10	74.2078	82.7211	83.64	88.2881	78.0957
WDR20	7.38465	7.81689	9.19465	7.85746	9.28935
ZNF543	0.622765	0.705492	0.491201	0.612814	0.643342
ASCC1	7.93174	7.91327	8.31224	8.61155	9.05407
TM4SF20	0	0	0.0122018	0	0.0135759
MORN4	3.47397	3.54871	6.45132	5.93624	3.38549
TK2	3.67518	4.70589	4.79493	4.85478	5.19163
FHDC1	0.343112	0.310614	0.382655	0.389885	0.426223
LHX4	0.866466	0.740357	0.619638	0.966954	0.571642
C4orf32	3.01475	3.00376	5.48144	4.24449	3.46919
ITPR1P	5.88956	4.5642	5.87435	7.14979	4.22594
POLR2A	8.51621	11.7095	10.8048	11.5033	11.6431
LFNG	1.91172	3.59372	1.72876	1.92054	4.05046
HNRNPAB	115.867	126.012	143.268	144.314	133.413
FEZ2	115.398	136.778	112.144	127.378	123.076
ANKMY1	1.24734	1.21053	1.81975	1.68894	1.44762
DKFZP686115217	1.00011	1.28598	0.792928	1.05636	1.3117
COP22	5.58504	7.01793	5.59648	7.62449	6.67379
RABGEF1	4.75341	4.01765	4.87668	5.03291	4.93622
GDAP2	1.20821	1.07531	1.16052	1.0828	1.41718
USP35	2.3967	2.81015	2.28871	2.96098	2.89036
KLHL35	10.0287	11.7823	16.826	14.8316	12.2345
PSMD9	28.1952	31.5959	32.672	33.8371	31.7504
WDR83	13.9198	14.4113	14.3427	17.9002	14.6386
HR	0.72672	1.79971	0.712727	0.90496	1.63202
XPOT	13.3482	10.6152	22.3967	18.0622	12.4341
CRYZL1	4.8514	4.68733	5.3154	5.12322	5.00936
HMOX2	34.0248	31.7682	35.3905	36.7299	37.2149
GPR125	4.92982	4.39509	5.31175	5.76934	5.01046
PHLDA2	79.9864	84.124	119.531	116.004	83.2199
ABHD8	9.08667	6.72074	10.2914	10.2634	8.34058
FOXP1	8.48339	7.1465	8.44355	9.25379	7.84793
CBX6	5.68557	6.0564	5.16727	7.08246	5.38646
NMI	8.35514	7.22549	11.3609	11.5217	8.71389
SEH1L	22.374	19.3796	23.0716	23.8322	23.0626
AACS	9.72453	9.41297	9.01471	10.3299	10.1206
MED28	36.4301	35.4251	36.9277	37.5922	39.4862
CYP26A1	0.0429496	0.0618974	0.0178516	0.0716451	0.0390867
E2F6	4.9882	8.12096	7.77753	6.91449	8.08143
FBXL19-AS1	0.250039	0.307671	0.31685	0.380272	0.239371
MRPL15	50.023	61.5787	57.4087	61.0374	64.3174
SET	260.532	277.498	311.126	318.36	297.017
VSIG10L	1.30226	1.13673	1.13805	1.10456	1.64206
ATRIP,TREX1	5.08828	5.37087	5.7351	6.70959	5.28433
MYO5A	2.06007	1.9614	2.22479	2.22565	2.06928
ZNF770	8.48846	6.03985	8.74168	9.0118	6.7888
SLC9A3	0.536842	0.660967	0.217655	0.641473	0.584248
EPN2	8.99644	8.04457	8.45719	8.80379	10.1432
AGFG2	1.57384	1.78553	1.82653	2.28104	1.77156
PMS2P5	2.23677	2.81383	3.34672	2.82015	3.15324

APOC1	7.61207	13.7489	9.17881	10.0042	12.6736
DIAPH3	6.27017	4.42493	6.68309	6.95502	5.08589
HNRNPA1	698.017	801.038	721.417	805.641	837.156
BTBD3	2.38699	1.92723	2.51843	2.70964	2.28158
LOC153684	0.13549	0.138621	0.165025	0.253878	0.0854618
PANK3	4.3345	3.01819	2.55314	3.34557	4.11742
FCHO1	8.85537	8.22076	7.69078	9.87353	7.92721
FAM222A	0.895098	1.20509	1.09949	1.06493	1.46178
MTOR	2.79035	2.41371	2.97824	3.54114	2.22552
FAM120C	2.92579	2.22856	3.16264	2.89915	3.29647
ZNF614	0.189568	0.278407	0.0949166	0.137939	0.280507
TUT1	11.0734	9.50117	11.3911	13.1739	9.82917
IFT80	2.18787	2.11489	2.09477	2.72147	2.21549
RIOK2	5.21912	5.42734	7.45789	6.33211	6.43143
INPP5A	5.69748	6.30196	6.3445	6.91345	6.93966
PRR7-AS1	0.423664	0.701056	0.659066	0.483918	0.607532
DCLRE1C	2.5277	2.54085	3.31035	3.27224	2.96766
NARG2	2.00492	1.97367	2.46874	2.45945	2.27906
CYBASC3	6.62728	8.99564	8.61198	8.01279	9.70244
RBM26	6.98645	6.95558	5.94146	7.84392	6.18987
USB1	26.677	29.4524	28.6026	33.6229	30.2554
MICAL3	4.13801	3.4462	3.95743	4.68024	3.57955
ZNF773	0.599064	1.14351	1.14616	1.10058	1.29335
RAC3	173.074	250.131	178.349	190.88	236.555
GAR1	40.5563	37.7027	49.803	47.3901	42.1232
SLC27A4	40.9277	40.3515	51.1974	55.1323	37.651
ACP6	13.9111	15.1116	17.731	18.6645	14.1478
EMILIN1	0.0615216	0.236211	0.188577	0.143512	0.143603
MEGF8	1.22658	1.7298	1.09071	1.49297	1.81779
MTMR10	1.92456	2.18845	2.17194	2.30588	2.36293
ALG8	21.5085	18.6741	25.7956	25.2	20.4722
CIRH1A	30.9973	31.8298	37.9077	36.3686	34.8676
MTIF2	15.0523	13.2168	16.6648	17.5159	15.1809
COBL	4.01769	2.89774	4.05882	4.06706	3.77673
NSMCE4A	17.5547	15.453	21.6406	23.0648	16.1886
SLC45A3	5.9659	5.97088	6.10873	7.19253	5.99974
TFDP1	19.7491	20.3785	24.1307	24.2198	22.7846
WDR46	34.6583	36.2656	38.9133	44.3311	35.058
BCCIP	56.6443	48.128	54.8756	60.3286	55.5499
INTS1	19.0192	21.7787	15.4904	20.3339	23.5627
APPL2	4.16118	4.25627	4.52138	4.38602	4.98848
TIMM23	96.7582	99.7903	113.739	112.193	111.293
DPH3	2.39182	3.14347	3.49649	3.05069	3.33887
G3BP1	31.7366	29.6739	38.2102	38.0984	31.7863
ORAOV1	4.61781	5.67312	6.41246	5.57475	6.1857
MAOA	0.0046355	0	0.0232711	0	0.0062616
CTTN	73.8662	64.5632	71.5538	83.1742	71.9658
NPHP4	2.78016	2.27513	2.39488	2.75745	2.42933
MTA3	12.7518	10.3641	12.9296	14.1876	11.5837
CCZ1B	5.64825	5.7439	7.37923	7.55633	6.03484
GOLM1	43.782	47.2576	49.1898	54.2171	52.018
ARHGAP40	1.53761	1.04942	1.7172	1.72341	1.43047
BIVM,BIVM-ERCC5,ERCC5	17.1757	15.1936	18.0533	20.3192	16.6442
AARSD1,PTGES3L,PTGES3L-AA	30.1277	26.4092	34.3237	34.9161	29.5655
BACE1-AS	0.871912	1.0646	0.725131	1.31513	1.05462
OXNAD1	1.45628	1.52126	2.04538	1.9856	1.36207
TRMT5	3.90564	4.27972	4.92902	4.72578	4.58861
LRPPRC	29.0121	24.9172	31.1127	33.1705	27.5882
RIBC1	0.781129	0.689276	0.458029	0.931583	0.786824
KRT7	4.67674	2.12172	4.06238	4.83673	2.03235
TMEM128	11.3982	11.3576	14.4881	13.3917	12.4422
FLJ10038	0.52083	0.890399	0.935446	0.75564	0.983706
PYCR2	56.2565	51.8911	70.8935	73.0509	52.274
ULK4	0.36023	0.317343	0.31753	0.448973	0.375672
MAP3K15	0.528913	0.647572	0.748749	0.792594	0.703172
IFT81	1.17646	0.971425	1.00894	1.1512	1.22254
MGMT	64.7326	81.9216	63.639	77.9613	75.1868
C7orf53	0.670253	0.428177	0.621007	0.844049	0.402154
OPRL1	2.07863	2.39175	1.78667	2.35691	2.56833
DBT	1.18868	1.07125	1.24435	1.22676	1.36013
ATR	0.820921	0.920256	0.91679	1.02775	1.01152
SNHG1	99.9371	131.837	207.504	152.697	126.249
PSMC6	30.1426	24.7577	31.8889	32.9605	29.5897
KAZN	6.20755	4.02726	6.77088	7.24135	4.47812
WDR43	18.1432	18.7144	22.9244	21.8934	21.0322
DNAJA1	81.9741	79.3528	88.0906	101.195	81.6684
FGGY	6.95688	9.21267	7.87784	8.90846	9.73001
FLJ26850	1.32157	1.71026	1.4711	1.63339	0.948411
MYCL1	4.20005	3.23301	3.77812	5.00202	3.35836

GPATCH2	1.12021	0.918116	0.80846	1.01221	1.30094
RPA2	23.2625	25.5372	28.6311	29.1445	26.9761
FLJ30403	0.498524	1.14811	0.512863	0.630934	0.887202
CA13	3.39833	3.67738	5.2317	4.58893	3.85655
VPS37B	41.3738	40.3443	46.0341	49.353	42.2926
HNRPDL	39.1476	44.6615	43.0498	48.9566	48.498
SLX1B,SULT1A4	0.581948	0.696416	0.442555	0.531513	0.83352
SLC9A8	2.86565	2.68202	3.26222	3.48105	2.88428
PSD4	1.56114	1.80398	1.82765	1.94614	2.21779
DYNC1LI1	17.2095	17.7127	17.343	19.3127	20.0087
UGDH	5.44103	6.12581	7.22279	6.83008	6.95832
KIAA0020	14.0348	12.2623	15.2368	17.1071	13.6749
TMED5	6.55399	6.34853	7.75611	7.43472	7.99704
SLC16A1	27.3467	35.8416	32.7548	32.137	38.544
PHKG1	22.3315	25.4552	24.1134	27.3201	24.9419
NUDT19	12.5868	15.5131	16.1567	15.6332	15.9178
SSR3	231.668	178.173	259.763	255.454	210.252
C16orf91	20.7568	30.7385	30.8633	29.9261	29.2249
APLF	0.302073	0.2736	0.321904	0.368199	0.281276
PIGQ	32.8426	32.4859	34.9457	40.707	34.78
ZNF398	2.55095	2.89369	2.78264	2.85007	3.19526
NDUFB5	65.7015	69.5707	67.2339	69.3418	80.3799
SNHG12	28.2203	24.4619	34.0633	34.3676	22.6604
DYNC2H1	1.14004	1.00372	0.866481	1.24319	1.21903
PDCD7	16.487	14.6343	17.057	19.8704	16.5068
POLK	1.77321	1.27589	1.40887	1.8581	1.54443
WDR67	2.62238	1.54483	3.00721	3.60239	1.71738
CTSL1	106.442	101.505	115.042	124.958	108.535
SMG8	5.23616	6.1574	6.05441	6.29641	6.67425
KIAA1147	4.05601	3.7777	3.8388	4.10799	4.85065
DCAF13	46.1737	38.7769	53.6586	53.6244	44.8626
ENTPD3-AS1	0.123519	0.19446	0.123115	0.20425	0.13379
CAMK2N1	18.7977	24.2037	22.7635	21.9486	26.7147
CCDC111	1.95224	1.84361	2.71182	2.711724	2.09901
MTRR	3.86352	3.71528	5.9236	4.76755	4.3906
AADAT	5.10309	5.51291	6.19348	6.4418	6.28511
DNAJA2	22.943	20.6865	28.6943	27.1001	23.7286
USP50	0.61556	0.755217	0.915546	0.905108	0.803135
UBE2N	34.9961	32.9638	40.7376	40.6548	38.4079
SEMA3F	5.01354	6.36155	4.73014	5.82591	7.07487
C7orf41	2.53859	2.95	3.20962	3.14345	3.19802
NOL8	5.76661	6.60662	5.89634	6.73051	6.84224
CACNB2	0.0844219	0.118612	0.0955811	0.145959	0.13555
CCDC64B	0.0978139	0.44848	0.0755229	0.375664	0.262791
MRPS23	30.7838	32.3041	39.0984	37.8168	35.7007
ZC3H12C	0.841378	0.48526	0.96829	0.980058	0.567348
YAP1	11.0157	10.4925	10.2898	11.2926	12.7674
CDK14	0.00426011	0	0.0270823	0.0213129	0.00597255
RNMTL1	24.0771	24.836	28.0107	27.4411	27.322
RBM14,RBM14-RBM4,RBM4	72.1923	74.0555	108.815	92.443	81.8243
PCBP2	165.216	175.993	206.18	205.935	177.705
UNC119B	8.70933	11.1622	10.5875	10.7541	12.0511
CTNS	3.5959	4.40675	4.93484	4.67423	4.2406
FARP2	0.554895	0.489387	0.682132	0.728608	0.606529
CREBL2	5.10671	5.63329	5.63367	6.101	6.12128
LEO1	7.69293	7.10627	7.15821	8.96415	8.19138
FGFR4	11.3151	15.1423	8.36756	10.9371	16.5241
TLCD2	1.14783	1.27398	1.51374	1.50178	1.24026
MCL1	71.1253	61.7922	78.1428	84.1982	70.2172
AGPS	3.36733	3.15214	3.91293	4.05432	3.83142
ARHGAP39	5.1256	4.28031	6.61916	6.56187	5.08983
TMEM86A	0.523449	1.4565	1.08254	0.853412	1.39678
CHTF8	27.5652	28.6818	40.5171	36.5323	29.9381
GAS2	0.0645109	0.0947599	0.027415	0.071743	0.0595477
RABGGTB	63.0796	50.9948	58.4616	67.3731	54.2432
HSD17B1	24.3658	25.2454	28.9558	26.487	30.7564
EIF3M	110.956	107.675	141.853	132.691	112.369
ZNF350	2.4425	2.86645	2.21637	2.57038	2.86555
DLX1	4.45885	5.31734	4.54144	5.74799	4.9785
TFAM	5.30632	5.57659	6.71081	6.53584	6.35334
UPF3B	4.3137	2.88322	6.3234	5.63591	3.20662
G6PC3	59.8445	60.4214	64.5747	68.8193	64.1663
CSTF3	14.2382	14.5664	17.6309	17.6214	16.0349
HSP90AA1	278.517	330.398	257.84	293.147	376.303
DOPEY1	0.278707	0.258948	0.322058	0.2631	0.285565
NRD1	19.5752	20.6527	22.242	24.0636	22.6612
KCNQ4	6.60869	4.30029	6.24235	7.63964	5.29
SLC35F6	14.5895	13.7714	20.2014	19.8173	13.4771
DHRS4L2	11.8872	11.892	11.7195	12.5552	14.4562

CEP63	2.02827	1.60862	2.01975	2.03564	2.03605
JUNB	23.5953	25.5499	31.5114	31.0784	25.4609
ZNF181	1.31696	1.9753	2.00673	1.6775	2.29862
CHIC2	18.5992	12.7939	20.749	19.58	16.4136
LOC400657	1.60898	1.82591	3.46637	2.503	2.08347
TMEM41B	23.9492	22.115	27.8832	28.0455	22.3628
CENPK	3.04052	2.48619	2.95263	4.26007	2.64272
ATP9B	2.47643	2.23063	1.94663	2.50271	2.42972
TSTA3	165.036	200.595	161.48	203.914	192.562
PRPF40A	10.148	10.054	10.0445	11.0364	11.6286
TSPAN7	1.26826	0.584163	0.787648	1.26983	0.896399
JAGN1	20.5395	25.6047	31.2513	27.5177	25.8944
ORC5	17.9807	15.5399	22.3538	22.907	16.8488
SNORA8	31.5359	52.1915	17.3245	39.1805	43.3672
C6orf164	0.114733	0.142699	0.126186	0.191734	0.0568727
GDI2	139.818	142.902	177.09	167.439	154.864
ZNF497	1.71931	1.64669	1.73811	2.03501	1.74914
UELD	0.884663	1.06369	1.02983	1.1946	0.963733
PRMT6	4.27927	7.03605	7.18142	6.44791	7.26944
C9orf72	4.65027	3.48051	3.31011	4.74952	4.1596
FRA10AC1	5.52888	4.8823	5.65144	6.74876	5.15086
PSPC1	16.5128	15.1469	22.4114	21.971	16.5141
ACAD8	12.3339	14.0573	14.0535	15.5539	15.2553
CENPQ	5.31272	5.67499	5.1562	6.10481	6.71071
RPP25L	70.3694	71.6075	85.5366	80.5453	69.4622
ATXN2L	53.1843	41.8482	55.3768	65.694	43.6871
TXNDC9	2.85136	3.90167	3.80384	4.43056	4.27395
ACP1	49.8988	53.3064	64.85	62.4527	56.2035
GSPT2	3.46286	4.18002	4.62909	4.62272	4.3704
PPIL1	19.3836	20.7098	24.5712	25.0168	22.0022
REXO4	61.907	59.3033	76.9467	79.4905	60.4195
CCDC78	4.58361	4.01123	4.32812	5.89475	4.07192
MED31	7.23262	8.30237	7.07733	8.40424	8.72335
FAHD2B	17.6646	20.2067	17.2188	21.3809	19.4769
C2orf44	2.45222	2.7319	3.44822	3.49881	2.6715
PLRG1	10.1041	8.91223	15.4122	14.3328	9.61894
POLR3GL	27.3341	29.1474	22.8323	30.6024	29.6436
FARSA	96.6809	82.4752	94.3162	105.806	92.8686
MGME1	10.6624	8.61165	13.0506	13.6126	10.2673
IDH3A	11.8642	13.3451	15.0783	15.7679	13.2841
PRMT3	3.19579	3.42727	5.46207	4.84102	3.72736
CDH3	0.0656394	0.246666	0.123928	0.0849776	0.263623
PLN	0	0	0.0166327	0	0.0186857
MOCOS	11.7723	9.16438	18.5297	17.0821	9.39213
KPNB1	35.2236	28.1076	46.0366	43.4609	32.1009
TRA2A	28.9614	30.0293	31.1389	32.9685	33.4912
DUSP7	26.6881	28.0887	24.7831	30.923	31.0071
ITGA2	1.24372	1.03744	0.89196	1.30273	1.25308
RPL22L1	243.478	308.741	310.024	294.937	297.497
SPATC1	0.0847068	0.11114	0.11108	0.155808	0.150985
TIPARP	11.5928	9.83386	13.0606	12.3678	12.9143
LOC100506548	20.5681	28.5264	23.574	25.2621	27.1143
TRIM65	13.6173	14.41	16.4291	16.2744	15.8939
DNTTIP2	17.4085	16.4019	17.5595	19.9747	18.9548
PPP2R2C	0.0446819	0.017981	0.00787868	0.0424762	0.0251986
ZKSCAN1	1.78787	1.90084	1.91084	2.10308	2.02683
POLR1B	8.14475	6.65924	9.72571	8.97339	8.05371
C17orf82	0.278428	0.356811	0.387613	0.464883	0.394091
RECQL	4.90328	4.55136	5.17796	5.49064	5.69602
PARP9	1.98597	1.39138	1.90976	2.3262	1.74469
ADPRH	0.712435	0.746367	0.887932	0.758962	0.912132
GNB4	0.0726361	0.059793	0.0596027	0.0498266	0.0760554
CPSF6	8.21368	7.72335	10.8598	10.4991	8.70419
ABCC9	0.519042	0.524298	0.445136	0.554564	0.618738
RGPD4	0.00283816	0.00415151	0	0	0.00786078
PA2G4	105.335	110.194	121.029	128.916	113.68
AHSA2	5.88244	4.24972	4.43854	6.40146	4.65152
RABEP1	7.83358	6.54933	8.56867	9.17066	7.58458
ASS1	93.6189	143.501	104.206	105.315	147.703
ELAC1	1.03699	2.4356	2.20321	1.65202	2.39099
GUCA1B	1.59453	1.24214	1.10595	1.52532	1.57527
CYP39A1	0.261804	0.595665	0.309401	0.452252	0.605056
ZNF517	5.10131	6.54664	6.77262	6.11544	7.01362
PLBD2	9.07825	8.53195	7.8825	9.17792	9.36109
DDX1	27.7206	24.8043	31.1464	32.0907	29.6408
RASGRP1	0.86559	0.560485	0.674868	0.823037	0.76321
ZNF622	27.0772	29.4296	32.1384	36.2036	28.0468
CSPP1	2.05374	1.87928	2.28278	2.54169	2.18584
MYOF	13.1461	15.694	13.4843	14.7408	16.8148

LOC100093631	0.335354	0.457619	0.319487	0.403118	0.491095
FARSB	23.3826	23.4228	28.3025	28.2193	25.5245
PEX1	4.14196	3.81619	4.60111	5.06198	4.03023
STAT2	5.35726	6.46314	4.80519	6.44601	7.03372
ANAPC13	23.3039	30.4332	32.0638	30.3486	30.1723
NAP1L5	0.928897	1.13912	1.16368	1.49983	1.15834
ACYP2	2.67224	2.94158	3.20089	2.83165	2.76585
RRP9	61.9072	60.2794	78.2763	78.2365	60.4757
ARGLU1	34.8585	32.5322	41.3415	43.7094	34.028
SENP6	4.99388	4.404	4.95143	5.6981	5.23589
POLA1	2.29838	1.94272	2.24387	2.92682	2.17623
THADA	1.7685	1.73499	1.81197	1.94968	1.95104
PALB2	2.54512	2.64406	3.50174	3.20169	3.2389
RAN	340.158	350.587	387.044	416.786	357.479
PES1	76.1479	78.3416	79.7556	89.09	78.3559
UBB	848.593	922.879	1167.09	1193.4	878.662
ZNF429	0.595046	0.469976	0.529126	0.513753	0.661549
TNPO2	14.1884	10.7545	14.9664	17.0762	11.2836
XPNPEP3	4.54711	4.34861	4.22009	4.99272	4.79603
RECQL5	6.29128	5.77359	6.70815	8.3611	5.42585
CCDC51	16.202	14.8502	16.8733	18.9166	16.4067
MAN1A1	1.05305	1.14169	1.10168	1.17033	1.32282
MCA1	16.8574	15.7189	19.8041	20.977	16.5945
NABP1	26.917	10.0353	27.3895	27.7287	12.6313
SLC38A9	3.39628	3.58113	4.95128	4.96269	3.73816
STK4	6.59249	6.40329	6.57225	7.50027	7.2506
WDR90	7.7412	7.32922	4.72781	8.79505	8.396
HIVEP3	0.247938	0.216898	0.237461	0.341486	0.188433
MYO6	1.74058	2.0035	1.65279	1.94103	2.29705
SLC25A12	3.62677	3.91079	3.81847	4.49981	4.32708
JAG2	19.9493	17.6283	16.7185	22.7618	18.5667
SEPHS2	38.0376	43.432	62.6003	58.4152	42.2262
TUSC2	14.6475	20.5508	17.785	19.6292	20.0932
FOS	2.79717	4.50854	3.06986	3.76578	3.20982
ZC3HAV1	4.78115	6.76675	4.82386	6.13543	6.2834
KMO	0.00396092	0.0058576	0	0	0.0110639
LOC100289361	5.99949	7.02581	5.71779	6.37537	7.15956
RPL26L1	72.5238	60.8962	80.7511	83.7483	61.5497
MTFMT	8.49818	10.6055	9.68192	10.2231	11.0175
LOC100133161	0.0999403	0.134993	0.121102	0.184171	0.0738414
MAX	34.2225	30.6628	40.6296	41.8334	33.0976
RNF13	5.04322	5.16852	6.54366	6.35495	5.96755
HIST1H2BL	1.65668	0.843448	1.83761	1.89739	0.311539
TSC2	10.2476	10.7034	9.96832	12.3691	11.196
CLCA2	0	0.00731842	0.0190209	0	0.0206926
MOCS3	3.05495	5.50677	4.86752	4.41777	5.27425
NGDN	20.3924	21.696	20.6708	25.0101	22.2896
TMEM150A	8.73298	9.60706	12.5177	10.0317	10.3552
SCNN1D	1.82565	1.96725	1.0433	2.33059	2.07992
CHRN2	0.0163389	0.014901	0.0133141	0.0363249	0.0136693
RNF187	48.3153	52.0268	66.0737	68.3411	52.5525
RRP1	48.7304	49.7045	46.6831	57.7042	50.6851
MAPK8IP2	0.976826	1.37792	0.765311	1.19528	1.09843
FYTTD1	7.50705	7.68161	8.85414	8.77934	9.63276
MDM1	2.08635	2.42822	2.29836	2.46184	2.77795
ACHE	5.06015	5.11608	4.59119	5.42836	5.81879
MOAP1	14.2493	15.5881	19.0034	17.0992	18.6134
LACTB2	13.3934	12.7944	19.6784	18.4693	14.342
ATXN10	19.1058	19.7605	22.5331	22.3491	22.7843
UFL1	4.11814	4.02753	3.89981	4.62631	4.50246
TAX1BP1	13.8589	12.4973	13.9282	14.2075	15.4566
TBX15	0.0210849	0.0197704	0.0087155	0	0.0183422
CBR4	4.54491	4.5669	4.78218	5.44934	5.12106
SLC35F5	4.47912	4.07821	4.09708	5.01546	4.45113
MTAP	36.0814	24.3929	33.1788	39.4198	28.5654
PLA2G6	2.71957	2.42947	2.19002	3.09063	2.85645
PDE12	9.26771	8.22673	8.79018	10.7592	9.21302
ZNF862	1.39049	1.20822	1.47969	1.73989	1.27828
CAPRN1	33.8305	31.0082	40.7682	40.486	33.5006
CTBS	3.14995	3.64123	3.45096	3.40547	4.26281
LOC440600	0.083399	0.0744409	0.104284	0.104518	0.0968614
GTPBP2	29.0022	22.4653	52.7786	50.9334	21.141
LOC100134368	0.133204	0.153817	0.542963	0.408929	0.169602
SERPINE1	407.706	368.185	400.094	450	410.915
BAZ1B	9.54705	7.38446	9.66397	11.6101	8.51821
ZNF720	2.06948	1.95088	1.93413	2.26081	2.17222
SP140L	3.63892	3.46332	4.39627	4.57313	4.06726
RHOBTB3	6.50788	6.67971	7.09049	7.31032	7.86253
GGCX	3.97682	5.42969	7.13575	6.40393	5.08065

PABPC1	798.342	849.247	898.56	941.944	913.739
CD24	3.66488	5.74407	4.55371	5.08063	5.57563
LOC93622	13.7569	20.872	21.3671	20.6178	18.3211
PM20D2	9.37921	8.4714	10.8064	10.0259	10.3927
FRMD8	9.27071	9.86554	12.0616	13.4174	9.46772
ODF3B	10.123	10.9997	10.6596	11.6559	11.0562
MED19	5.55133	5.66952	5.66398	6.84731	6.35282
FBXL19	11.0107	10.0625	10.837	13.4791	10.3225
YEATS4	21.6183	23.8909	26.7907	25.4179	26.9546
SLC10A5	0.620587	0.870356	1.48039	1.37832	0.536135
ZNF540	0.20566	0.20445	0.210877	0.22484	0.263856
PPP1R2P3	0	0.0161882	0	0.0181738	0
LMOD1	0.123716	0.0905898	0.217376	0.194055	0.129782
MSH2	8.253	7.22184	7.57108	9.61217	8.51887
SPATA7	3.61671	4.26838	3.59064	3.96871	4.52496
LYRM7	1.17392	1.19745	1.63858	1.60358	1.21552
SNAPC4	11.8195	13.9414	11.6775	15.3082	13.9085
ZNF749	0.418261	0.797499	0.663216	0.543766	0.91763
CDK17	9.21636	7.92686	12.9081	12.6388	8.84087
PCLO	0.0265637	0.0137851	0.0208003	0.0262483	0.0209354
AGK	11.4319	10.1865	10.8313	12.5016	11.9911
REV3L	0.581922	0.620603	0.49926	0.676742	0.748451
FAM206A	15.2134	17.288	19.0349	19.1991	18.0758
MLYCD	6.65176	5.97417	8.9871	7.34036	7.34316
MLF1IP	8.13911	9.72617	9.61871	11.4609	9.88121
PDE4D	2.04873	1.52451	2.81394	2.26798	2.02547
CARS2	50.223	46.2539	57.3317	59.1269	52.3659
PIIF	46.8653	55.2607	60.9424	60.1191	58.1174
SUPT6H	15.8589	15.1207	16.077	18.9159	16.7077
BAHCC1	1.37332	1.09168	1.13805	1.67509	1.0758
TRA2B	20.0189	25.977	27.1924	25.3237	28.4753
C19orf33	225.963	314.935	253.735	238.345	338.496
PWP1	25.3868	25.9852	34.8383	30.5532	28.7379
RMND1	27.4477	24.3021	33.3684	32.6084	27.0727
CCNJ	3.09473	3.46234	3.8722	3.75133	3.93145
MARVELD1	11.7448	16.2882	13.955	14.2935	18.1705
HEATR5A	0.694416	0.739991	0.723122	0.839243	0.779665
ZNF260	2.32548	2.31471	2.27808	2.28733	2.79841
ZNF629	5.03829	6.29256	6.69998	7.24012	6.05765
LIG4	0.976965	0.840442	1.07006	1.2448	0.825103
C1QBP	294.79	299.779	307.793	343.441	319.267
C6orf132	3.26897	3.14349	4.29236	3.86971	3.33107
ZNF467	1.46382	1.91496	1.3613	1.26991	2.29239
ZNF69	2.67971	2.78355	2.3433	3.45569	2.75114
ACTN4	50.6503	48.557	52.9348	57.1087	57.6538
CD58	5.42751	8.08202	7.50578	7.67254	7.70198
CNIH2	0.400757	0.641341	0.530057	0.612944	0.775206
PITPNM1	12.6923	17.191	12.5222	16.0578	16.1439
TSMF	21.9547	24.3686	22.4228	27.154	25.4427
COMT	45.8446	41.3876	49.9741	52.9848	42.0552
ZFP112	0.602572	0.570319	1.0179	0.885478	0.57523
AURKC	1.21708	0.81028	0.656558	0.811011	1.08714
GLS	10.5495	8.44639	10.5293	10.8406	11.1363
ZBTB1	4.27911	4.01335	3.91711	4.87869	4.4155
SMAGP	139.182	120.556	184.863	179.273	128.484
ARHGAP31	1.49895	1.26371	1.23231	1.54871	1.56557
ZNF43	0	0.00559485	0	0.00629377	0
NCAPG	5.58204	4.11422	6.6583	7.89919	3.96473
ZNF611	0.356026	0.682816	0.312538	0.486468	0.672625
LPXN	1.08086	1.2568	1.65183	1.16783	1.59137
SLC25A20	2.53732	2.83784	4.08338	3.33696	3.41849
GADD45A	83.5963	109.479	154.327	116.528	123.913
CDH23	0.0231593	0.0637087	0.0103367	0.040965	0.0473752
MRS2P2	0.0249142	0	0.0209245	0.0137841	0.0231279
CYP1A1	0.210805	0.366677	0.272101	0.296085	0.210919
ADAMTS17	0.0800912	0.0802086	0.0585162	0.151361	0.0672798
CCDC25	9.16312	11.441	11.2105	10.9464	12.3724
IL6R	2.59869	2.17147	1.83717	2.29918	2.47519
RNF149	16.8403	13.2543	16.78	18.0212	15.7881
DHX29	2.89194	3.34631	3.28722	3.64677	3.4617
L3HYPDH	2.01715	2.8168	2.83755	2.44623	2.82059
CNPY2,PAN2	87.6863	86.7028	110.915	112.496	87.1335
HS2ST1	3.56565	3.23196	3.73346	4.15536	3.45977
SLC2A11	2.25715	3.17937	2.27723	2.70216	2.6793
BCL2L2,BCL2L2-PABPN1,PABPN	113.203	98.5656	129.133	138.602	101.987
PCBD2	2.56093	2.33252	3.28532	3.5246	2.43828
GNN	0.0343329	0.0703687	0.0306664	0.0650659	0.0529772
FAM114A2	3.60783	3.33619	3.73083	4.11197	3.69578
PLAGL1	10.0167	11.4686	9.09835	10.6983	12.4448

ZNF197	2.44873	2.89605	3.03593	3.12768	2.88886
LINC00673	0.144295	0.459335	0.309301	0.262817	0.583185
HSD17B10	106.188	101.124	115.856	125.784	102.044
FAM13B	1.87702	1.91145	2.44627	1.97521	2.38308
GABPA	2.60493	2.77953	2.72123	3.02368	2.89428
OSBPL3	1.53549	1.55248	1.56995	1.80833	1.77623
HNRNPA1L2	7.86099	8.96421	7.98846	9.39468	9.59186
GALM	4.51772	4.89015	4.33862	4.93977	5.88474
SCP2	30.6212	33.5153	29.369	32.9466	40.8621
NLE1	33.032	27.961	37.3587	38.2935	29.6151
FGD5-AS1	9.07042	10.5608	11.6762	11.7908	11.2481
RRP1B	14.9216	14.3596	14.3358	18.2095	14.8692
BICD1	0.247415	0.318267	0.353274	0.326162	0.416517
VDAC1	140.369	153.018	136.737	156.377	170.861
ARID5B	0.194959	0.2084	0.173036	0.20793	0.238087
DPH2	16.7748	19.8335	22.0288	20.1774	20.6842
WRB	12.2142	17.093	17.1627	15.9149	19.0175
CYCS	17.5024	17.2869	25.4479	23.9981	18.3928
ZNF264	1.11746	1.20883	1.16501	1.09603	1.31314
LOC645513	1.96915	1.91202	2.43802	2.64927	2.26696
FLJ42627	2.0438	1.9435	2.40918	2.58739	2.01746
LOC100505761	8.49613	9.34021	11.2563	12.2436	8.44164
POLR3D	28.101	16.9702	32.3183	31.0056	19.5124
LINS	1.91777	2.17074	1.5935	2.08508	2.12599
TICRR	4.69546	2.75413	4.29445	5.64844	3.0098
DHX34	11.784	7.90391	12.0538	13.7137	8.46034
VPS53	3.17027	2.94198	2.45829	3.08006	3.19736
C9orf139	0.0390128	0.0258096	0	0.0326587	0.0235767
LOC100652770	0.0242414	0.107128	0.122898	0.121246	0.101157
MRPL35	8.84454	9.27321	9.88509	10.5512	9.47851
GOLGA6L4	0.241473	0.164918	0.123836	0.231202	0.249275
NAA15	7.44962	6.76798	7.47274	8.47645	7.96565
GTPBP3	20.0706	19.0198	19.7532	24.0421	20.9321
KLHL9	6.66049	7.42107	7.26664	8.20005	7.98869
EML3	16.4011	20.1462	14.0219	17.9981	22.9605
GUSBP1	1.64642	2.18722	3.01115	2.54624	2.24434
DHX9	25.8685	26.6969	28.9134	31.677	31.4273
KLHL8	1.2869	1.25856	1.33641	1.48724	1.3297
ARRB1	4.20951	4.80415	4.65356	5.02704	5.1123
TMEM70	24.6277	28.1232	30.141	30.1006	30.5619
MUSTN1,TMEM110,TMEM110-M	5.10054	5.69477	4.76556	6.43861	5.80579
HUNK	0.428808	0.302641	0.498811	0.530428	0.438012
CASP3	4.89664	5.78817	5.92364	6.59454	6.68985
RFX5	13.8443	12.9358	15.9637	16.9145	15.1509
WIPI1	8.23535	7.83188	10.74	10.8468	8.09971
LY6K	0.210239	0.13737	0.206183	0.140401	0.26477
USP6	0.175339	0.166417	0.200937	0.229379	0.166554
TCFL5	6.79934	8.22574	6.31313	7.86042	8.6912
ATP11C	2.01044	1.50585	2.09864	2.16131	2.14068
CES2	7.25282	8.48288	8.5533	9.42356	8.95566
AIMP2	9.14195	10.2554	12.3575	11.917	10.6115
HIST1H2BI	0.520019	0.174755	0.473258	0	0.643534
PNPT1	7.86373	7.08364	8.78758	9.62434	7.84859
NOXA1	8.72052	9.82525	7.3133	11.2058	9.36975
MORN2	8.04997	8.5749	7.7378	7.88431	10.5599
IREB2	4.18482	3.23524	4.27458	4.77543	3.69127
DRAM1	4.88773	5.25994	7.52049	6.98982	5.27515
ASNSD1	11.9443	15.3901	17.9056	14.5736	18.3615
IL17RE	0.525522	0.895789	0.364344	0.425395	0.859966
C15orf55	0	0.00972208	0.0087322	0.0118535	0.00905321
MEGF6	0.915014	1.38918	0.712569	1.22323	1.32938
ISCU	49.6207	48.2654	60.4615	59.6996	55.1113
MGLL	25.6088	24.5741	27.7099	29.1329	27.1138
DTD1	56.2498	59.8684	60.6345	68.1693	64.5654
PLIN1	0.129724	0.143036	0.126619	0.238786	0.0989902
C1orf109	4.9504	5.63705	7.77364	6.32998	6.00294
NOM1	7.61085	6.86104	7.10519	8.44738	7.90914
PEX11G	1.66507	2.9497	2.85295	2.72047	2.5057
GHITM	69.6516	74.3921	87.9201	90.7019	79.7296
PIGB	2.88792	2.62094	3.08861	3.22193	3.28063
RPA4	0.197257	0.176807	0.331838	0.357498	0.188287
LOC646762,ZNRF2P2	1.88652	1.55338	2.48026	2.71896	1.60485
MAGOH	64.5213	64.1317	63.8913	78.4416	64.8098
LDOC1L	4.71899	6.29118	6.61018	6.55382	7.07189
LOC100129361	3.66703	4.55056	5.09631	4.70159	5.38426
SH3BP5-AS1	0.545561	0.889402	0.73489	0.867825	0.934569
TSN	16.9119	19.6917	20.7924	22.8259	20.7232
CCT3	279.856	274.816	319.221	341.269	285.509
LIN9	1.59677	1.19418	2.08364	2.02457	1.12712

LRRC58	4.13455	3.33834	4.09181	3.89359	4.81394
EPHX2	5.46743	5.89083	4.54446	6.65724	6.69172
ENC1	12.3578	13.7355	12.232	13.1002	16.7714
CCAR1	7.48223	5.26009	7.09258	8.81448	6.49495
BPHL	17.1615	19.945	16.47	20.8351	22.0636
PNPO	12.075	13.1014	12.3005	13.5267	14.5001
CELF3	0.0355913	0.0253621	0.0074056	0.0298209	0.0157287
HELB	0.371004	0.384837	0.314044	0.384861	0.394993
RNF20	5.59721	6.45448	5.66614	7.04837	6.22612
XRN2	18.4658	19.204	22.9851	23.047	22.172
AKAP11	2.02501	1.80594	1.94226	2.12539	2.2152
RAPGEF3	0.512347	0.442623	0.525695	0.529085	0.445479
CLIC4	16.1656	16.2688	27.1858	24.6579	16.7655
CCDC77	3.45831	2.49755	3.40592	4.18567	2.59231
CRLF1	0.882373	1.22184	0.719119	1.06144	1.28572
KLC2	30.5553	27.616	35.0891	39.4099	28.0587
GTF2E1	4.44348	3.38681	4.983	5.29795	3.53886
SCLY_UBE2F	28.2753	26.0632	33.0404	34.3166	27.5808
AQPEP	0.00917294	0.0134684	0.0116645	0.0306315	0
ETV5	9.36624	9.27419	16.0867	15.176	10.3632
CCT5	73.6398	64.9686	81.5542	90.7495	70.124
BTF3L4	11.0339	13.7866	14.541	14.6818	14.9709
FUBP3	18.4457	17.9779	22.3529	23.3679	19.3313
LRRC8D	4.42647	3.53231	8.48621	7.44053	3.68001
DNAAF2	5.1636	6.65623	7.45493	6.74846	6.56866
TUBB2B	0.699844	0.822605	0.929259	0.83846	0.979773
NEUROD1	0	0.0135427	0	0.0153348	0
SPIRE1	5.02243	4.67589	6.1794	6.78482	5.05019
HEXDC	2.66847	3.14853	2.72205	3.44553	3.7705
LAT2	0.618353	0.616288	0.569313	1.05032	0.438699
PSMD14	81.7311	74.5762	76.3327	87.9006	85.3486
ZNHIT6	4.83006	4.98802	5.29155	5.73018	5.84743
ST5	1.50022	1.32125	1.67811	1.99697	1.44935
ALG1	4.09579	5.0035	5.02708	5.48671	5.16481
UGGT2	2.29372	1.85207	2.4796	2.86118	2.17183
C4orf22	1.76631	3.33543	1.51241	2.61188	2.44782
DDX10	9.17654	7.63096	10.0109	10.9372	8.10012
LYPLAL1	12.672	9.46256	12.9854	13.6102	11.8065
B4GALNT3	1.86356	1.87423	2.33965	2.4794	2.36382
CCDC112	2.8968	2.10691	1.91919	2.74249	2.94358
ME3	8.72422	9.06205	9.46064	10.1325	9.91833
DPM1	37.1763	35.056	40.2888	45.4314	36.6901
RARRES1	0.969122	1.73891	1.15285	1.26723	1.76012
SRGAP3	0.0204058	0.024573	0.0144455	0.0241718	0.0228483
CLN6	41.9241	44.9064	51.8295	59.9189	40.7216
APOLD1	0.244751	0.182893	0.289049	0.40903	0.082691
PTRH1	62.9617	72.0158	66.8243	81.1901	65.6639
DNAJC11	18.6689	16.4416	18.0759	22.0822	19.0853
STK36	2.9384	3.5664	2.49996	3.58566	3.59179
LOC391322	3.21134	2.24821	2.78802	2.90703	3.10564
NSRP1	7.95881	7.01306	7.96413	9.88878	7.57049
TLL13	0.0754282	0.184708	0.165617	0.22576	0.152003
LPCAT1	25.6489	25.8619	27.1803	30.7825	28.2779
LOC283174	1.13889	0.86069	1.1285	1.56102	0.971287
PCMTD2	4.52395	4.84577	5.41709	5.73372	5.33172
CPSF3L	76.7387	77.6972	77.5199	92.6121	75.7745
DNAJA3	32.0529	28.2373	42.8363	43.7293	30.0138
ERH	208.395	197.861	246.332	258.995	220.185
EFTUD2	35.4772	34.6692	34.752	43.4266	36.8957
TMPRSS6	0.137241	0.0330088	0.0448949	0.104494	0.0749091
C6orf203	12.9114	12.8143	14.0649	14.9086	16.0756
LOC645249	11.1169	12.8041	18.5033	16.1809	14.8614
FAM78A	3.55683	3.54814	3.79534	4.84647	3.48174
ZNF562	2.94055	3.08791	3.34883	3.42874	3.36324
UBE2O2	10.8838	11.9108	11.6401	12.3715	13.9061
DOC2B	0.826874	0.850529	0.873455	1.15458	1.15208
ARPC5L	83.4757	93.0874	107.196	115.212	94.1503
ATP11A	2.15496	1.86447	2.1298	2.54671	2.24962
ABCC10	1.83692	2.10358	1.77872	1.88707	2.31479
PDCC2	30.3292	32.2019	39.9189	39.8626	31.4159
SLC35E2B	5.01753	5.81757	6.51036	6.72856	6.65791
TOB1-AS1	0.901959	0.831762	0.971249	1.24225	0.628021
IFT52	10.3198	12.089	11.182	12.0781	12.5292
CCDC125	2.00352	1.78765	1.84477	2.04151	2.30609
CCDC34	10.8585	9.38258	7.51187	10.9585	11.5125
CYP26B1	0.819282	0.828512	1.21989	1.35356	0.890392
FBXO24	0.415339	0.327121	0.25157	0.347348	0.451217
DNAJC6	1.88243	1.15476	1.89655	2.37187	1.23622
OCIAD1	35.0708	32.4782	45.5973	44.2349	37.8406

LOC284412	0.322355	0.448441	0.298863	0.346307	0.342149
NOLC1	21.6138	23.2176	23.2074	27.6695	24.9095
MPP5	4.37075	3.99654	3.9827	4.72084	4.69759
TMEM194B	12.7684	8.50964	10.2096	12.3642	10.4819
CHD4	14.8586	14.2826	17.8916	19.7311	15.1318
KCTD13	12.2066	9.29879	10.1203	15.0248	8.91372
EWSR1	95.8608	91.8775	113.9	125.99	96.8819
CCDC41	2.29708	1.83625	1.4335	2.3001	2.17208
PION	0.899568	0.849856	0.971061	1.07049	0.902592
FAM169A	2.00856	1.88215	2.63964	2.49069	2.17401
SFMBT1	2.4464	2.08905	2.88759	3.04797	2.00648
RARS	31.8553	30.9551	35.4219	36.6836	35.3717
FCGBP	0.0437523	0.0385777	0.0291313	0.0449911	0.0524939
MARS2	4.86526	7.86383	7.39661	7.12139	8.46247
EIF4A1,SENP3	775.518	744.294	875.09	936.058	767.012
TMEM175	7.17063	6.94982	7.40713	9.03858	7.45526
WDR75	9.12885	8.48918	10.0939	10.6523	9.67805
JAZF1-AS1	0.0228557	0.0977004	0.0284997	0.0381516	0.0909407
C17orf76-AS1,SNORD49B	1030.09	1605.08	1144.9	1249.88	1599.17
ASAP3	4.93902	5.71395	4.49964	5.62119	5.96721
UBE2G2	17.7733	19.8336	20.1723	22.9061	21.6725
EIF6	227.209	205.862	279.193	292.214	199.5
KIF3A	1.627	1.93762	1.45437	1.85144	1.9809
NUDT12	2.81794	2.76115	2.86926	2.90939	3.80865
OMA1	6.59667	5.51962	6.06107	7.76926	5.34562
WIBG	15.9184	14.1958	18.9393	20.5997	15.2776
RNASEH1	9.52681	8.88865	9.08533	12.1457	9.29152
CNIH	46.0096	56.1092	68.8872	64.1815	60.1193
SLC16A13	7.3218	5.82765	14.2535	13.0413	5.02327
BZW2	81.1853	75.6488	81.8172	92.3062	83.062
TMEM69	33.9633	35.1553	44.6569	43.3941	36.5848
HDHD1	11.4209	11.0086	13.2676	13.6781	12.4831
DUSP12	17.6611	21.5402	24.4971	23.5122	22.741
CALML6	0.163825	0.255615	0.0329587	0.136103	0.236841
ADCK1	3.27456	3.83218	3.54801	4.42865	3.37524
SLC25A33	19.0022	20.4599	23.2137	22.6225	23.3781
HMX3	0.404653	0.201651	1.21546	0.933194	0.18672
THPO	0.205696	0.237215	0.250467	0.285045	0.199258
AGAP2	0.356025	0.380767	0.525791	0.412227	0.672034
SLC4A11	11.3258	10.8033	10.9839	14.7144	10.9991
SLC2A10	1.51718	2.30299	2.34413	2.09379	2.82041
VKORC1L1	9.92063	7.58389	8.50099	10.8511	8.50135
ACSL1	7.60183	7.36408	8.09969	9.52818	7.88174
PPM1N	4.96811	4.72331	4.64284	6.14136	4.22355
FAM13C	0	0.0106038	0	0.0120613	0
ZNF14	2.09951	1.7726	2.17073	2.26851	2.28199
ZNF473	2.61968	2.55725	3.5126	3.64184	2.6386
NMRK1	8.39658	8.75794	8.42833	8.4523	11.1822
C12orf76	1.56237	1.75627	1.5747	1.76074	2.02691
ARHGAP24	0.119344	0.0149126	0.188894	0.199019	0.0210023
WWC2-AS2	1.09621	0.731093	1.06114	1.28414	1.0143
BCLAF1	8.9175	9.57903	8.66137	9.858	11.5022
AS3MT,C10orf32	3.41962	4.43489	5.11921	4.1234	4.83614
UBQLN2	9.83975	9.3001	11.6299	11.3736	11.4773
PIK3C3	8.07909	6.76448	8.84824	9.41281	8.25846
SDR9C7	0.063402	0.0218481	0.0389509	0.0528049	0.0610659
ARMC2	0.124931	0.028507	0.124028	0.174983	0.0359371
PUS1	32.0619	31.5465	38.6965	40.822	32.2491
IVD	12.7895	16.3133	15.8056	17.2756	17.4658
ARHGEF2	27.7023	17.4237	78.5088	55.6733	19.3048
SPIN2B	2.11103	2.10664	2.133	2.23648	2.27118
C7orf25	5.42044	4.65871	6.07088	6.69573	5.15874
LOC100128881	17.1273	15.2085	20.9677	22.1386	15.9244
CORO1C	114.734	96.1405	89.3263	123.309	109.257
PDE4A	1.24813	1.39009	1.13585	1.62429	1.09025
TXNL4B	4.74598	4.33491	7.40125	6.4471	4.49716
ZNF638	5.56291	4.91971	4.65175	6.3915	5.70909
LINC00657	22.8683	26.7404	25.2332	28.0134	28.3101
TPMT	3.57648	4.20984	4.46768	4.59685	4.63764
ABCB8	5.00134	5.61144	4.0599	5.74707	5.26564
ZNF474	10.7926	6.80889	7.84943	11.2977	6.88221
ERCC4	0.596711	0.565778	0.721426	0.901877	0.510067
WNT10A	0.839361	0.936358	1.31545	0.898786	1.10188
NLRP9	0.0332802	0.104489	0.0249069	0.0997319	0.0267278
FAM110D	0.583064	0.987585	0.395458	0.556182	0.96883
GTF3C6	49.0902	52.994	52.238	60.8558	54.8281
FERMT3	0.259157	0.380044	0.38185	0.381516	0.363357
PROCA1	1.16456	1.23393	0.708142	1.60844	0.908747
PAFAH2	2.55114	2.62423	3.23394	3.2325	3.02729

TRMT61B	8.33955	7.13698	9.78639	9.493	9.54943
ASNA1	78.9928	91.6706	85.5823	101.479	89.2602
ZNF83	3.3072	3.36801	2.40205	3.6486	3.68326
RFWD3	7.53009	7.5407	8.22347	9.14308	8.62506
RRP12	11.5928	13.3501	11.8495	15.7515	12.8267
PELI2	0.559595	0.525002	0.688351	0.73993	0.470236
AGER	2.52513	1.77485	1.44605	3.17012	1.96713
SH2D4A	3.26884	3.41996	3.4799	3.83739	3.90014
EFCAB2	1.66935	1.70477	1.77727	1.94711	2.08752
KIAA0247	1.45429	1.49786	1.53921	1.63234	1.71175
CRYM	1.0052	0.668522	0.602075	0.853195	0.852467
DDX28	10.273	17.4846	14.6531	15.4232	17.9893
STYX	2.84404	3.49906	2.79859	3.43482	3.74689
LOC344595	0.543475	0.819796	0.754695	0.722663	0.869509
GID4	4.46634	2.96604	4.37924	5.03025	3.33353
C9orf66	0.1871	0.30537	0.422299	0.482346	0.252817
TLL11	1.35336	1.51369	2.81868	2.34426	1.29275
SLC1A4	3.55761	3.905	12.9805	9.90814	3.76774
SYMPK	20.7352	15.9643	18.4162	24.2273	17.1233
PMEP1A	0.739011	0.889259	0.91903	1.11852	0.72244
AUNIP	4.75239	5.26098	6.97931	6.54734	5.93375
DND1	8.23382	8.57693	9.90895	10.922	9.4731
DNAJC7	30.7934	27.1117	37.3064	39.4217	29.213
MUM1	7.12723	8.7278	8.48094	9.85062	9.11072
POLR1A	5.30968	4.23356	5.0513	6.00631	4.72356
ZFP90	2.48009	2.8519	2.91415	3.01118	3.43479
POLR1E	35.0024	30.9809	38.136	39.431	35.703
NAT9	22.1154	24.2375	30.2887	30.2273	23.8288
LZTFL1	2.53742	2.57064	2.99107	3.02136	3.1444
ATP5S	4.202	5.64201	5.81287	5.52152	5.6776
EXOSC1	22.5809	24.2464	29.0558	30.3765	22.047
ECHDC1	17.1334	16.877	21.7692	21.7671	20.0868
NIT1	27.7587	22.2942	39.3635	40.5969	24.4646
SMARCA2	4.53452	4.21338	5.02354	6.30581	4.63067
XPO4	2.37954	2.34966	2.42082	2.84835	2.5035
C15orf37	1.15902	2.47675	1.99506	2.01789	1.89967
GSTA4	9.05373	12.1498	11.6057	11.1922	15.6001
MSTO1	5.67016	7.22716	8.55932	8.95116	6.8181
ZNF7	14.5647	15.8478	18.1358	18.757	17.5825
KCTD5	23.2124	24.7764	28.364	30.1938	26.4461
ACAD9	12.8621	13.5923	11.2636	15.7651	13.6242
PLXNB3	0.73244	1.64683	0.448917	0.800687	1.85318
KIAA1430	7.96038	8.611	8.32197	8.72385	10.0657
RNU6ATAC	30.6101	46.4091	28.0995	43.3862	62.869
KLHL5	1.20292	1.28753	1.42212	1.53298	1.38375
LOC339874	0.0561147	0.331891	0.100774	0.113173	0.20408
SSR4P1	0.291797	0.65248	0.412126	0.385958	0.657312
GRASP	0.43119	0.281207	0.475681	0.399662	0.581497
POP1	5.45884	3.00063	6.34541	6.98037	3.66223
HDAC9	8.33466	4.43786	6.54685	8.44448	4.90933
ACBD6	31.0989	27.4157	29.0958	30.8611	35.0195
SAMD11	1.40397	2.34218	1.28875	1.71732	1.83319
LHFPL4	1.10114	0.971609	0.939138	0.971178	1.42358
DNAH17	0.139192	0.219216	0.210034	0.261762	0.218104
HIST3H2BB	0.378859	0	0.301493	0.624006	0.154379
SMKR1	4.60285	4.76102	6.67431	5.47933	5.95366
DLAT	4.33475	4.36118	4.61028	5.28164	5.21875
MEST	9.66211	16.2674	11.4614	14.0266	14.4631
KIAA0232	1.42309	1.96414	1.64258	1.82348	1.98483
HSPA8	529.281	592.769	637.791	672.064	582.478
KIAA0895	0.574443	0.435143	0.479349	0.519465	0.580086
CRB2	0.0641187	0	0.0288823	0.0539369	0.0386893
KEL	0.0244503	0.0332497	0	0.020303	0.0459822
MR1	0.908169	1.06778	1.15541	1.15868	1.08276
PLCG2	3.23881	2.41173	2.89853	3.5888	2.97785
KCNIP3	2.34484	2.78934	2.57207	2.91548	2.38275
FUBP1	18.651	13.7754	23.6261	23.3896	15.8828
HECTD1	3.42951	3.02087	3.54586	4.09933	3.32813
KIF5B	11.6523	12.1563	14.2988	15.2765	13.5857
C19orf57	0.461255	0.685086	0.752535	0.975323	0.763946
RAB23	1.62629	1.39719	2.0809	1.88356	1.61751
TCTEX1D4	0.0399502	0	0.144428	0.0669076	0.144959
LOC100129480	0.0759867	0.07091	0.031051	0.126408	0.0329425
RCAN1	7.3236	8.79141	12.4081	10.6616	9.93269
LOC100505978	0.0669979	0.0470264	0.123888	0.110585	0.0442661
SCNN1A	1.01134	1.33954	0.743868	1.24508	1.39617
KIN	1.78309	1.4442	2.15346	2.04443	1.85109
PITPNA	14.7164	16.6009	16.528	18.7616	18.104
CEP72	8.59668	7.37267	7.23377	9.86865	7.6045

FBXL14	2.21247	1.75511	1.96776	2.15115	2.58443
C5orf55	1.7698	3.15867	3.1862	2.63334	3.70048
AP4E1	1.20614	1.01538	1.47177	1.6093	1.12139
NOB1	121.698	112.771	143.846	140.335	122.295
LCTL	0.35169	0.491247	0.433551	0.46346	0.427087
OR10H1	0.11597	0	0	0.0645558	0
RND2	0.456113	0.574697	0.347636	0.459202	0.637426
MCCC2	20.7725	18.5745	22.3576	26.6717	20.8432
ZFP62	2.23883	1.96548	2.6917	2.87492	1.89884
NHLH1	0.0550724	0.0579707	0	0.0693312	0.0358297
ABHD14A,ACY1	83.7718	95.0523	84.8746	98.7123	99.2216
NANOS1	1.96052	2.77163	2.47968	2.54767	2.89892
VIPAS39	5.47504	5.10522	4.97101	5.84434	5.28882
PIPOX	0.100657	0.0761896	0.0680053	0.055514	0.128028
PLGRKT	12.2339	14.0726	11.8697	14.4704	14.7893
LRRC69	0.184772	0.170381	0.104973	0.249577	0.0693594
FAM167A	0.710792	0.865265	1.14621	0.96211	1.08998
HIST2H2BF	1.55039	1.21327	1.3888	2.766	0
SPAG1	2.63925	3.58132	3.64092	3.5268	3.67232
VAR5	60.3188	53.2724	57.3844	69.8271	60.1682
TRMT6	7.42572	9.12636	10.0421	10.4999	9.35505
CLUAP1	2.71398	3.01886	3.08342	3.38675	3.243
PALLD	4.71975	4.8058	4.91541	5.48886	5.66683
PRODH	0.932978	0.979176	1.15989	1.46645	1.01522
MAMSTR	0.887215	0.93901	1.15933	1.07417	1.17219
NFKBID	2.71276	1.7934	2.53038	3.49625	2.09252
GK5	0.699973	0.684657	0.590989	0.804477	0.822649
IL27RA	7.01657	9.69329	8.56347	9.03279	11.1994
DCUN1D1	3.27853	3.15902	3.81479	3.90111	3.56582
ANKRD42	0.357239	0.311812	0.314165	0.345341	0.431137
ABCD1	10.6794	9.37247	11.9545	13.011	10.7699
AMIGO3	2.24337	2.39925	3.18955	3.19307	2.58549
FAM188B,INMT	0.791797	0.926344	0.632581	0.757469	1.00785
WDR25	3.28529	2.97407	5.38195	4.51641	3.37842
SNORA71A	2.67396	7.15477	9.46467	4.33034	3.67805
UCKL1-AS1	0.178707	0.132458	0.200465	0.260105	0.271014
MRPS10	16.3412	18.9057	18.3353	20.889	19.9093
PDIK1L	1.7206	2.44162	1.91525	2.22704	2.63363
ZNF627	2.97915	3.69605	3.58441	3.65232	3.82423
ILF2	120.824	126.062	146.916	151.086	142.773
LOC100009676	1.62416	1.68087	2.64111	2.82903	1.53661
PFDN6	98.8342	90.696	104.443	117.154	98.8272
FLJ31813	0.19102	0.429525	0.41128	0.51025	0.383295
DAGLA	1.55818	1.06959	1.26009	1.58134	1.29891
TRAF3	3.78139	3.6544	3.97919	4.52856	4.0378
HOXC4,HOXC5,HOXC6	10.5239	11.1374	11.3623	13.0334	11.801
VAX2	0	0.0625	0.0571728	0.0805347	0.0573516
GPR179	0.00664862	0	0.00401571	0	0.0123303
SELT	21.0419	23.2543	23.3721	23.2722	26.9627
HNRNPH1	59.4467	64.2488	68.0259	77.2422	71.5936
HTR7P1	0.460384	0.981344	0.924455	0.82161	0.910637
TXNDC15	6.70746	7.33168	8.35952	8.88664	9.04431
ANAPC7	12.075	11.2249	14.1987	14.7494	12.5395
CEP89	2.33356	2.76795	2.08519	2.68424	2.78942
ACOX3	5.6172	6.31023	4.4258	6.78154	5.60454
C12orf43	4.93452	6.95016	5.26257	6.90327	6.99922
MRM1	7.91147	6.99013	9.67093	9.63621	6.90327
IGF2,INS,INS-IGF2	0	0.00855384	0.0076116	0	0.00767222
TMEM136	4.76133	3.73909	5.04057	5.38013	4.38131
ACOT9	22.7937	20.6438	27.671	26.1231	24.2378
ZNF674-AS1	0.930686	1.79014	2.10558	1.56135	2.25133
GMFB	6.0369	5.94904	7.54953	7.84788	6.74779
WDR27	1.12879	1.8087	1.20138	1.62632	1.65726
CDK7	35.5962	33.7709	39.476	41.9623	35.1098
ZNF101	2.70082	3.14658	2.23581	2.73449	3.30923
CRYL1	22.6055	30.0966	22.5654	24.952	32.4278
C15orf40	12.2072	14.359	15.3518	13.6886	17.0053
L3MBTL3	1.03398	1.04219	1.1572	1.59273	1.08989
NEXN	0.0183701	0.00864288	0.0229454	0.030199	0.01661
GBAS	24.8693	28.4906	24.6222	26.7049	34.78
PTPN11	9.11475	8.90005	10.7288	11.5542	10.0433
ARMC5	4.89181	6.95901	6.27455	6.82768	7.2361
ZNF302	2.56239	4.07011	4.32476	3.81807	4.02925
RFXAP	1.5679	1.97089	3.22698	2.81846	2.02818
DNAJC22	4.13719	4.53368	4.27188	4.07091	4.37994
H2AFY2	17.2573	16.0087	19.2452	21.7272	14.9777
ZNF529	1.70727	1.65927	1.5875	2.14328	1.86899
HOMER1	0.6914	0.782549	1.00959	0.948756	1.0637
KIAA1704	3.17474	2.03006	3.01599	3.51176	2.76082

NSUN3	1.43498	1.25243	1.42189	1.82907	1.05032
UFSP1	2.12825	2.87343	4.45428	2.98913	3.76163
NFXL1	3.48772	2.554	4.35224	4.74065	3.22964
SOAT1	3.05838	2.86015	3.87356	3.92198	3.14966
KRTAP4-8	0.735443	0.395672	0.48207	0.710022	0.272965
DLEU7	0.0378515	0	0.0466281	0	0.097896
JUN	159.421	81.3225	196.741	194.4	101.069
ATP1A1OS	2.08497	3.21579	3.5665	2.68369	3.76532
DKC1	33.9608	33.1617	45.4942	45.0637	38.1118
TMLHE-AS1	0	0.0186114	0	0.0214443	0
CCDC117	4.07772	4.1757	4.38084	4.41397	5.14515
LAIR1	0.0709348	0.0139545	0.0497873	0.0505232	0.0515416
NIP7	14.259	20.621	21.7968	19.4938	22.6101
HEATR2	21.7028	16.9337	18.5243	23.9076	20.3657
PSMB8	51.9303	46.9206	72.7589	60.8296	48.991
ANKRD20A2,ANKRD20A3	0	0.00807634	0	0.00930738	0
KLRAP1	0.222761	0.209268	0.142583	0.261755	0.201198
MATN3	0	0.0130099	0.0112739	0	0.012258
THOP1	61.7748	62.5579	68.2863	73.1164	71.2283
CLIP1	5.51804	4.16805	4.87835	6.52896	4.80451
IL23A	0.741143	0.920401	0.708457	0.864403	1.00198
METTL15	3.18445	3.37485	2.64338	3.40948	4.09933
PIGW	2.19283	4.67726	4.55926	3.5959	4.95192
IFT57	6.49465	8.40923	6.49311	6.97053	9.91347
ZBED6	0.180847	0.0545117	0.123352	0.114248	0.114248
TMEM144	6.88001	6.48958	5.73029	6.50358	8.34607
PRDM11	0.208845	0.298473	0.225557	0.168102	0.415531
SNHG10	4.22128	5.30451	5.74968	5.95319	5.7877
RDH10	3.17956	3.76311	4.64921	4.75563	3.7718
CISH	2.31454	2.66116	1.96242	2.91176	2.49411
BRICD5	3.98675	4.84405	4.0944	5.36005	4.57475
METTL8	2.0018	2.33116	2.26609	2.30463	2.69198
UTP6	18.7535	16.402	20.9509	22.8235	19.8773
GMCL1	2.31833	1.68171	1.70549	2.31959	2.30154
PANX1	2.13816	3.20133	2.89723	2.45278	3.6488
LYAR	25.3258	20.8961	25.6486	29.368	25.2729
TRIM25	11.6059	11.5265	26.5141	23.517	11.8195
S100A11	856.689	760.496	810.328	972.775	860.037
LOC100268168	4.44986	1.76537	5.18105	5.33997	2.58564
PIPF5K1	3.96126	4.13115	4.80127	5.50827	4.68606
SYNCRIP	12.1048	12.4475	14.0846	15.3773	14.0334
PTPN9	5.29614	6.09359	6.6038	7.4966	5.61059
ATP6V1G2,DDX39B	145.772	137.605	156.561	189.661	137.499
STK19	4.6981	5.26025	5.84199	5.7457	6.53978
NOL6	7.33694	8.78821	9.59429	10.0719	9.43966
DNAJC27	0.710522	0.774444	0.70591	0.75057	0.88774
LOXL1-AS1	1.00266	1.43315	1.14762	1.4139	1.43098
KIAA0754	0.210933	0.274777	0.242719	0.329023	0.297544
ID3	149.481	456.085	146.565	192.367	425.972
USP40	2.96209	3.18171	3.37574	3.63592	3.74856
IQCH-AS1	2.47146	4.18623	2.66324	3.69575	4.30107
PRKAG2	16.2784	17.3754	18.0326	19.4042	18.9915
SH3D19	3.4824	3.12944	3.47974	4.39648	3.50041
HOXA3	0.294409	0.706055	0.544392	0.494614	0.824957
LRWD1	30.0466	24.0034	35.3213	39.0046	25.5871
TMEM63B	9.29851	9.4699	9.05514	10.5173	11.5755
C19orf48	284.777	267.041	391.609	381.785	258.397
ZNF420	0.8988	0.715515	1.1242	0.970862	0.929149
EID2B	1.27587	2.8621	2.1772	2.4792	2.87259
RHBDD3	16.1646	19.0061	21.094	23.5198	18.2117
NEURL2	1.76091	1.81552	2.40334	2.60532	2.36456
HTATSF1	6.40028	6.55292	6.68362	8.28227	7.19196
DGCR9	0.0124066	0.0338611	0.0604391	0.0206165	0.0156166
GPANK1	15.6566	15.6897	19.3259	19.3118	17.4006
HAX1	56.0364	51.9855	87.2091	82.1628	50.4165
TAP2	18.1431	13.6282	22.2091	23.4947	16.9358
FBXW8	1.48737	1.55371	1.74267	1.95188	1.76046
NPM1	1321.47	1271.96	1507.53	1599.15	1295.83
NT5C3	13.3216	14.9307	15.0352	17.3341	16.6507
NR1D1	9.64506	6.36639	9.95564	10.5071	7.07806
MAGEF1	25.891	27.9519	38.1774	37.6827	31.9263
BIK	5.4606	4.74611	4.66765	4.07058	6.85481
C12orf5	1.39421	2.528	2.82262	2.47444	2.39334
SHC4	0.0199489	0.0217567	0.018845	0.0249172	0.0274454
PREPL	4.39465	3.35242	5.08749	5.62463	4.01968
RSL24D1	95.28	105.425	160.805	135.341	111.965
EVC	5.80119	4.99714	6.18607	7.61441	5.19063
BRD9	11.6064	12.7228	11.699	14.2316	13.382
KCNAB1	0.743266	0.913479	1.31282	1.08801	1.08664

TPX2	30.1417	27.2576	32.2259	38.9919	28.3221
GINS4	4.64353	4.38693	5.24359	6.02891	4.95717
NR2F1	2.40544	4.00703	3.87269	3.44251	5.02504
SPRTN	1.12064	1.37262	2.07913	1.89546	1.47313
KDM6B	6.46161	5.27935	6.65729	8.28017	5.46217
LRRC28	4.06194	5.0194	3.41799	4.08288	5.61332
ICA1L	0.414762	0.345128	0.478463	0.607007	0.422028
LTBP4	14.5181	16.7885	11.1654	16.6081	18.5541
CCT6A	73.1617	70.6971	91.1618	89.877	83.4367
H3F3B	149.617	213.092	167.728	198.047	221.375
GCH1	4.7753	5.90853	6.81794	7.28009	5.89218
HPX	0.215129	0.171659	0.283915	0.329648	0.227379
ABHD14B	34.2785	46.9887	38.8288	44.3853	46.38
WDR45	31.2162	33.7406	39.6935	43.5789	34.129
POLR3B	0.759861	0.825715	1.14178	1.11892	0.82799
MPV17L	0.0404395	0	0	0.0227023	0
ADTRP	0.157135	0.433286	0.261733	0.108035	0.696982
MGCT2080	15.0642	13.4324	14.1445	18.8	11.3985
ATPBD4	3.2065	2.67989	3.50176	3.17088	2.54741
ECI1	135.19	133.097	171.871	190.957	121.473
WDR44	1.33739	1.07949	1.24273	1.30127	1.27662
C22orf23	3.24574	3.94542	3.88251	3.63153	3.63736
MRE11A	2.08429	1.37955	2.21563	2.54649	1.63914
QPRT	0.115219	0.0620329	0.111813	0.0772411	0.057003
NAE1	37.223	35.106	44.9575	44.4696	43.715
FRAT1	2.60382	4.9861	3.44293	4.41721	4.33777
LIN52	0.932723	0.717061	1.28415	1.19918	1.06739
SCARNA1	1.22818	1.71029	0	0	3.42553
ZNF136	0.610757	1.14857	0.96124	0.757571	1.18145
FPGT,FPGT-TNNI3K,TNNI3K	1.59746	0.970552	1.73497	1.90895	1.11035
MTMR9LP	3.13502	3.10518	3.16305	4.33096	3.39756
SRXN1	31.5324	35.8824	42.2412	41.8692	39.3361
VASN	1.32538	2.66734	1.12234	1.11224	3.04251
MECR	13.137	14.7422	15.3386	17.1931	15.2439
ZXDC	4.52384	4.74672	6.00154	5.97227	5.14048
PSMC4	42.9782	44.3156	47.0795	54.1841	47.4011
LMO4	2.31082	3.03694	6.26136	4.47064	3.10575
SLC13A1	0.016865	0.0335743	0.0360769	0.0282676	0.0319285
CPEB4	0.683536	0.498296	0.574401	0.759217	0.463717
SNORD21	0	46.4508	44.7208	0	106.353
SRSF5	38.9608	80.887	66.0253	55.4589	88.5003
ABCC5	5.36845	4.52222	5.2257	6.87685	4.39673
DPY19L3	2.30356	1.99184	2.19528	2.8684	2.2052
PABPC1L	6.72557	5.82468	6.22891	10.4463	5.31664
THTPA	10.2129	8.25386	10.7068	13.1137	8.23597
WAC-AS1	12.8934	15.5152	16.4376	16.2827	17.7958
KIAA0586	0.529202	0.442772	0.600458	0.739778	0.476724
SNORA4	0	4.66356	3.99277	5.36451	4.70229
TTC21A	0.308746	0.384417	0.164827	0.405924	0.355175
CAAP1	3.67085	3.87605	4.16453	4.6937	4.44936
TADA2A	3.25785	3.04939	4.08688	4.19386	3.14087
ZMYND11	4.90697	5.03141	6.24917	6.58429	5.44904
SRSF7	37.3755	44.8766	45.2536	49.1716	45.2277
HMG1	1141.36	1169.89	1120.83	1372.13	1290.91
SLC51A	0.228571	0.125774	0.111366	0.114423	0.145267
CHAMP1	3.50719	5.777	4.40706	4.93987	6.21467
METAP2	22.5541	21.9129	29.1728	28.2996	26.9211
SNORA70	45.6863	75.7819	41.7994	56.846	63.4447
GRB10	6.28918	5.4529	10.1902	10.041	5.35255
SATB2	1.49611	0.877362	1.52889	1.73555	1.05658
BAZ1A	4.62002	3.19654	4.66021	5.59211	3.851
BUB3	97.682	92.9974	121.615	120.326	101.792
PPF1B1	3.85781	3.56893	3.64365	4.36405	4.439
AGAP1	3.03791	3.12549	2.95147	3.34447	3.81772
C2CD4A	0	0.0137305	0	0.0159419	0
PASK	2.57683	2.07231	1.78644	3.35993	2.14435
ZNF793	0.0139246	0.0081964	0.00354022	0.00929889	0.0156264
GCSH	10.6978	11.1956	12.7796	12.3686	14.0817
GOLIM4	0.510901	0.623925	0.643012	0.72811	0.753909
FAM101B	0.291526	0.097208	0.180777	0.359406	0.2272
LOC100133985	1.88468	1.86545	2.03241	2.81664	2.36347
LBX2-AS1	6.91625	6.74256	9.15848	10.0374	6.3875
ADAT1	0.476049	0.737198	0.832361	0.918615	0.595941
C3orf38	3.96421	4.00126	4.17923	4.23736	5.30107
MST1P2	1.16067	0.73535	0.724101	0.956767	1.18903
RBM28	24.4493	14.1958	21.4081	28.334	17.4276
MAML3	0.620924	0.761549	0.754058	0.682609	1.02167
ZMYM1	1.70285	2.0804	1.68407	2.11864	2.18893
OVGP1	1.1214	1.12283	1.11624	1.65052	0.932351

LOC284260	0.113307	0.0986522	0.0553172	0.033585	0.149273
AGMAT	6.86095	6.93127	7.09322	8.60371	7.02668
PAN3-AS1	0.605306	0.445166	1.20344	1.03796	0.744417
MFS07	0.101882	0.438747	0.183482	0.385924	0.369409
ATG2A	10.0517	11.3124	10.6538	13.1832	11.9776
ID12	4.73488	7.84976	8.10942	7.25975	8.52527
MYRIP	0.00489089	0	0.00606887	0	0.0128096
ACR	0.104102	0.0352836	0	0	0.162947
KITLG	0.0906973	0.19008	0.114544	0.0803847	0.194241
MRPL50	41.5346	37.7234	44.5526	49.0942	44.1595
VARS2	17.7844	15.8597	15.9511	20.8447	17.9027
NDOR1	12.6491	10.246	13.0115	19.0474	9.31131
RPS6KC1	0.962012	1.01959	1.34883	1.32959	1.17477
SSBP3	11.8024	15.082	12.8576	15.9208	14.5679
RACGAP1P	0	0.0109997	0.00964876	0	0.010344
THBS3	1.80678	1.97435	1.87068	2.27863	2.24574
PCF11	2.95256	2.35581	3.6626	3.64618	3.0419
STXBP4	0.164004	0.289248	0.227873	0.290936	0.293531
JMJD4	13.2698	13.6432	19.8168	19.3241	13.6761
TMOD2	0.713005	0.684	0.860095	0.945677	0.706896
HGSNAT	4.79158	5.98233	5.95133	6.63833	6.19763
GLRX3	101.184	76.526	135.664	130.005	86.3779
NOTUM	4.98656	4.64692	3.89911	6.16733	4.54872
PHLDA1	62.0965	49.9645	78.1246	78.354	57.4541
COX6B2	0.450962	0.931942	0.316164	0.715998	0.84993
PUS10	0.399371	0.367248	0.427066	0.42981	0.481537
RFX3	0.506286	0.534202	0.473699	0.529979	0.601032
DUS4L	4.53819	4.90761	5.86736	6.20742	5.02551
FKBP7	1.24418	1.70262	1.23347	1.59243	1.68604
DIS3L2	4.69423	4.82156	3.68015	5.19754	5.52794
RNF141	2.9836	3.86655	3.00807	3.57287	4.10163
TCTEX1D2, TM4SF19	96.8487	64.8977	90.9258	113.815	67.6623
TPD52L2	87.2847	86.7242	98.3413	111.083	93.0521
KIF7	8.84496	7.36566	8.73445	10.9252	8.24837
PRKCG	6.01151	5.60731	2.54204	5.78854	6.64855
LOC554206	0.390872	0.858273	0.95015	0.648712	1.05708
LOC100506305	0	0.0240399	0.021201	0	0.0224611
BCL2L13	4.8085	4.98816	5.28824	6.14317	4.78803
P4HTM	13.0725	15.1769	15.8858	18.4354	14.8375
UBAP2	6.04003	6.00943	6.11214	7.62558	6.42815
WDR19	2.22367	2.57103	2.44735	2.86354	3.07031
POU2F3	0	0.0138533	0.0121535	0	0.0129019
PRH1, PRR4	2.00689	2.26812	2.3256	2.34866	2.98317
ADAMTSL5	4.59133	4.7014	4.90963	6.39475	5.1618
NMNAT1	2.57604	1.86655	2.39744	2.91447	2.35624
RFC3	5.39335	5.22843	6.78518	7.67432	5.32122
EID2	19.1707	24.2098	28.5346	27.0513	27.0691
GLB1L2	16.7972	16.8542	14.6757	18.9791	20.3071
RGL4	0.501405	0.591298	0.716055	0.782949	0.754852
ZFAT-AS1	0	0.150693	0.0668701	0.134527	0.0714356
LOC100133331	1.09414	0.619542	0.91531	1.44141	0.762039
STXBP1	17.855	18.343	15.9907	19.8612	20.9988
FBXW4	20.6049	21.6255	21.6223	26.2652	20.1993
SORBS1	0.20763	0.164608	0.135045	0.251603	0.144117
TBC1D14	0.851832	0.873679	0.715496	0.80868	0.999011
TSPAN3	42.4375	44.889	44.8478	52.592	48.4019
SERINC4	0.849301	1.20264	1.68061	1.31038	1.52868
SEPT10	13.4829	14.9776	15.508	16.7921	17.2398
ZNF41	0.301043	0.206146	0.316768	0.353038	0.269643
MED10	36.0922	43.3535	48.8601	47.2834	48.0837
ACTR3B	10.1461	10.868	12.3505	12.7128	12.1466
TMEM38A	1.50887	1.6538	2.09053	2.08544	1.93124
MED6	13.4028	16.6139	15.8383	17.6774	18.9969
LINC00282	0	0.0169428	0.0446554	0.029795	0.0316719
FLJ14107	0.0824053	0.022969	0.0406278	0.0825446	0
PIBF1	1.74967	1.57224	1.44951	2.20395	1.8693
LINC00035	0.102284	0.945744	0.243689	0.850067	0.123955
TARS	36.0734	30.9804	68.5355	57.1456	35.8758
CEBPA-AS1	2.28236	3.11078	2.86776	3.03546	3.17523
MEX3A	5.25954	4.3055	4.7055	5.87235	4.62069
NADKD1	3.53915	3.37197	3.25452	4.11836	4.11526
GTPBP5	5.36993	5.37887	6.19269	7.23708	5.26992
CASQ2	0	0.0117014	0	0.0136611	0
C11orf49	18.5895	19.0519	16.8866	21.6178	20.8468
PDC	0	0.026061	0	0	0
CCDC146	0.654581	0.558784	0.2784	0.735179	0.596667
TRMT1	48.418	55.1218	46.909	62.7978	57.0791
WDR93	0.0733166	0.0291821	0.0648499	0.0870181	0.109092
EMR4P	0	0.0128376	0	0.0149978	0

KCTD18	2.01949	2.39641	2.23055	2.5628	2.47012
GPATCH11	1.26753	0.73407	0.801727	0.944588	1.15167
TRIM56	1.80836	1.0186	1.79595	2.31734	1.5686
STRIP2	3.10796	3.6768	2.9946	4.21491	3.90784
C3orf58	4.04842	2.43867	2.47717	3.88454	3.24558
LOC100505875	0.29102	0.336471	0.232283	0.132322	0.450685
HEG1	1.86901	2.22613	1.48915	2.17367	2.39204
TTC18	0.387037	0.51361	0.425036	0.544727	0.495911
KIAA1324	0.108561	0.128314	0.186721	0.173281	0.145349
CBX3	70.6702	69.0616	76.2648	83.8445	84.0096
NDEL1	4.89972	3.91129	6.53604	6.24445	4.9296
TOE1	5.58608	11.4005	10.1578	10.455	10.6752
ZNF479	0	0.0137694	0	0.016101	0
ZNF552	1.13031	2.33532	1.25004	1.48296	2.4176
TPCN2	2.5679	2.48456	3.49397	3.52154	3.09502
KIAA1984-AS1	0.456122	0.589983	0.934579	0.874134	0.559756
LOC439994	2.03855	2.33853	4.1696	3.58294	2.77316
LOC100506730	1.93175	2.42589	1.48922	2.00171	2.75607
RNF14	4.65592	4.16007	5.49362	5.72932	4.83932
B3GNT9	6.55191	8.74881	7.04482	7.93613	9.84014
HMGA2	19.724	17.3558	24.5208	28.4198	16.3982
ESF1	3.2448	2.82044	1.91844	3.6761	3.50225
AARS	25.9829	20.7477	61.7189	53.5318	20.0878
RPL21P44	0.0835222	0.034247	0.0301661	0.0397961	0.0486219
SNORA20	0	0	5.11702	0	6.02646
HNRNPU	36.996	39.5765	47.1074	54.4349	41.2281
LOC100652999	0.0859151	0.145144	0.154066	0.110742	0.1728
NEMF	3.77518	3.27931	3.01098	4.30861	3.79195
RIMBP3C	0.00724352	0.0286523	0	0.0120755	0.0174912
SRSF10	19.0898	23.0128	25.8683	26.9051	24.462
FAM86C1	1.73114	3.18467	2.71008	3.11024	2.81614
NRP2	0.922566	0.699528	0.770877	1.09938	0.784341
DDX46	5.18301	3.92253	5.48544	6.53493	5.09078
PHTF1	1.72536	1.80694	1.58352	1.81325	2.16571
OTUD6B	3.23984	3.10719	4.74937	4.8132	3.68612
MIR612	0	0	37.509	0	44.2165
TSEN15	8.89767	7.80293	16.611	15.277	7.94241
UBLCP1	6.6398	8.15742	9.25117	10.1543	8.43113
HEATR3	1.5867	1.63116	2.1255	1.52702	2.13052
THOC7	35.2847	32.2521	39.5999	43.532	35.4215
TMEM182	0.400555	0.519034	0.762499	0.550925	0.634792
CCDC57	4.35525	4.19809	3.70405	5.4901	4.62568
ANKRD26	0.323733	0.385405	0.126734	0.400343	0.428193
HIST1H2AB	0.45765	0.199173	0.541267	0	0.373702
CARD9	0.875522	1.28819	1.23823	1.52122	0.987047
ENKUR	0.180978	0.0944231	0.122726	0.0755538	0.0896638
ZNF587B	1.23408	2.37849	2.46429	2.16098	2.36816
DNAJC16	1.82893	1.95701	2.24365	2.73076	2.07266
SRSF3	56.4559	57.1461	79.2642	74.6012	64.1641
ATAD3A	49.0658	47.8825	51.5542	64.7325	50.8331
HSDL2	16.139	15.2976	16.4647	17.0381	19.8331
FBXO30	3.40213	3.85344	4.49826	4.13837	4.38905
LYPLA1	29.8277	33.2432	35.3463	37.1678	38.3588
BCDIN3D-AS1	0.112453	0.12903	0.150172	0.249017	0.171219
LOC100288181	0.283762	0.335771	0.345654	0.397082	0.365048
ITGA3	23.0369	51.0076	25.9018	31.3492	52.5483
PLEKHF1	4.29333	5.84439	8.59889	7.23235	6.49611
EIF2S3	76.8734	87.1827	98.0359	111.913	84.3779
TFAP2E	2.63237	3.65081	3.36493	3.66045	3.57575
RAPGEFL1	2.84807	3.10504	2.4889	3.79237	3.69037
ZNF566	1.34189	1.53227	1.97628	1.47965	1.77967
PNN	14.6705	14.791	16.4901	20.2641	17.0147
CRTAM	0	0.0131035	0	0.0153859	0
HOXA7	10.7975	11.866	13.836	14.6198	12.9379
TCEA1	37.3744	38.4353	59.5938	58.9149	41.1349
INTS2	1.95028	1.43895	1.70048	2.25042	1.96457
RUFY3	1.84559	1.57555	1.93419	1.99345	1.94752
GLRX	589.085	463.167	542.817	582.191	613.054
PLEKHA4	7.87951	10.4321	6.30734	9.75627	10.2346
CTPS1	15.8003	16.7671	21.9156	22.5194	18.5762
TSC22D1-AS1	0.0854026	0.139632	0.193064	0.126976	0.213115
HSPA9	153.769	141.764	175.207	197.465	166.738
SRSF2	59.0619	68.8585	97.8224	90.9509	71.6369
SMURF2	68.9044	46.8285	89.4291	83.9771	57.9229
GNL3L	2.91673	2.75707	3.92836	3.81024	2.95009
CCDC18	0.618472	0.402472	0.338818	0.693473	0.588004
SLC7A5	34.8145	40.0312	134.958	98.3257	42.5428
CACNG8	0.240131	0.170583	0.149784	0.340977	0.190394
SNX5	39.6684	40.9848	45.6785	50.9384	43.8061

NCL	245.569	238.962	237.816	308.294	264.395
ZBTB46	2.14077	1.83849	1.89488	2.36919	2.22788
PPID	24.976	22.0281	24.3192	31.7023	24.8499
PTCD2	2.24077	2.21591	2.54183	2.67654	2.66368
DDX52	4.55683	3.95877	4.90835	5.89463	4.54546
MTHFD1L	26.0223	26.7901	36.3399	39.1187	26.3929
C19orf44	1.75355	1.19046	2.26974	2.39152	1.23007
ZBTB48	8.13874	9.19225	11.4099	11.9009	10.3043
ZNF37A	1.80365	1.30751	2.37188	2.68396	1.42188
LOC100289509	0.454397	0.493845	0.184018	0.350591	0.610576
SCAND2P	2.10592	2.30106	2.79457	3.1278	2.65667
ZNF155	1.18516	1.58109	1.28208	1.375	1.98609
EIF5B	19.0008	15.7927	11.8306	22.0469	19.4779
C2orf74	0	0.138442	0.0308514	0	0.200453
RGPD3	0.0515764	0.049843	0.0173794	0.0458001	0.0329475
RAB40B	9.7122	10.5077	12.3636	11.3822	13.9947
PIGX	3.64165	3.86546	4.35743	4.85896	4.78637
ZNF251	8.17219	6.67049	6.69042	9.67257	6.81132
ADRB1	0.0298487	0.444212	0.297262	0.225497	0.554078
ARL13B	0.800031	0.485829	0.928888	1.07409	0.788721
GCLM	2.29867	2.52247	2.48514	2.66053	2.69904
ZNF70	0.643445	0.451219	0.710973	0.676704	0.763196
RRS1	24.2726	37.3083	38.7589	38.5466	38.8374
LOC728431	0.626038	0.718304	0.66593	0.59473	0.982673
MED17	6.883	6.93251	9.81159	9.35821	7.37656
KIAA0556	1.40147	1.29328	1.66245	1.92515	1.37553
CIDEB	1.45457	1.65548	1.47147	1.94452	1.80926
FAM86A	7.79351	9.72858	10.7685	10.8072	9.95755
CDKN2A	2.16824	1.99112	1.82895	1.73415	3.95083
CAD	11.8168	12.4937	11.9563	15.6893	12.8442
HIVEP1	0.19977	0.178592	0.243522	0.299118	0.176656
GALR2	0.130843	0.340532	0.386565	0.332342	0.230212
C6orf62	23.312	26.4224	31.85	29.9923	31.2548
FAM214A	1.43215	1.51424	1.30048	1.62826	1.80393
NEK8	0.818557	0.739051	0.778955	1.05756	0.613955
PRR9	0	0.0296012	0	0.0348902	0
TBCCD1	1.92347	1.31088	1.96203	2.03827	1.7378
HOTAIR	0.442789	0.593755	0.580404	0.636136	0.404173
RANBP17	0.502959	0.402691	0.414471	0.508552	0.488908
GRIN1	0.0636055	0.046508	0.0565132	0.0423558	0.0893554
NINJ2	1.3236	0.599108	0.946427	1.58105	0.676572
CASP8AP2	0.54284	0.503744	0.410614	0.699654	0.673708
EFCAB4B	1.27458	1.45622	1.19915	1.65501	1.47276
SETD9	2.57903	2.643	2.99076	2.811	3.36885
DYNC2L1	11.462	10.487	10.9265	12.8968	13.0206
ABHD3	4.41491	3.51571	3.9285	5.45646	3.78589
C5orf34	3.41577	1.82473	2.8609	4.32044	1.8106
DCAF17	1.60231	1.69219	1.81105	2.03753	1.99353
PNP	58.5122	64.0444	73.1394	76.342	71.1942
ZNF774	0.45869	0.35327	0.683139	0.592466	0.620426
ZNF485	3.27903	3.07519	3.02137	3.99374	3.63357
ATIC	57.7027	55.823	70.9362	74.6779	63.3782
IFT172	2.02371	2.0234	1.91953	2.26052	2.57118
DNAJC19	12.2422	11.2399	15.0602	16.651	11.2389
LINC00085	0.763679	0.652027	0.261452	0.719309	0.640533
ALDH16A1	11.2069	9.74457	10.4273	14.4217	11.8349
PGBD2	1.14675	1.43787	1.97835	1.82181	1.66263
QRFP	0.443585	0.393096	1.94073	1.71406	0.547481
ENDOU	0	0.0295259	0.0390966	0.0348428	0.0277308
C20orf202	0	0.0224444	0	0.0264906	0
XKR9	0.113931	0.123556	0.130723	0.13493	0.118537
MTG1	25.6186	28.9284	26.7954	31.0814	31.76
FAM120A	39.277	36.0497	38.6086	45.9618	44.2051
TLL2	0.0263718	0.0160467	0.0140776	0.0251315	0.015029
EIF1AX	23.99	26.697	30.4812	31.5237	30.9087
HMGB1	70.7639	71.4524	79.6455	91.8121	84.118
TMEM231	10.3966	11.0906	10.7871	12.7736	11.6987
VIM	8.23069	7.02625	8.13372	9.42611	7.07766
TSPEAR	0.0184813	0.0250354	0.0111663	0	0
PMPCA	123.852	114.048	116.346	141.405	139.19
MIPEP	11.4213	10.1102	10.3994	12.6211	13.5248
FBXL17	1.11017	0.98813	1.19982	1.29485	1.21276
TFAP4	15.3893	11.6285	16.5449	19.0093	13.8522
ORAI2	2.90103	3.21514	3.34257	3.78105	3.66485
LOC100507577	0.393346	0.297694	0.535972	0.585756	0.365504
TASP1	2.73846	2.51384	3.36701	3.48992	3.64973
NPM2	15.5239	18.1428	22.7715	24.286	17.4076
ATXN7L1	1.03566	0.932037	1.15057	1.29497	0.999736
CPT1A	8.52422	7.37342	10.1262	11.9638	7.3234

C1orf162	0.96038	0.519036	0.568637	0.654569	1.06506
ZNF446	6.1739	5.86134	7.77355	7.95935	7.08587
FAM22A	0.703543	0.740644	0.780502	0.715104	1.0254
CCPG1_DYX1C1	3.12537	3.35228	3.04583	3.7274	4.25398
MPL	0.0573843	0.0343462	0.050591	0.0547739	0.0847923
HOXC8	1.95107	2.30084	2.12152	2.70905	2.13043
LTBP2	0.517345	0.430016	0.74243	0.687017	0.457066
NLRC3	0.0982536	0.217739	0.108375	0.132174	0.231928
RHBDD1	2.12535	2.25414	3.60344	3.31555	2.39386
FAM83H	29.2931	28.5658	35.5511	39.9012	32.7962
ZNF441	0.722991	0.561333	0.339718	0.639531	0.760366
TAF15	65.7704	58.8116	71.5516	89.5937	66.1741
ZNF320	2.28898	2.03633	2.35473	2.92993	2.40418
DACT3	2.33363	2.25195	2.08163	2.31199	2.92014
HIST1H2AJ	1.44888	1.03096	1.31572	1.85104	0.191487
CPT2	6.55611	9.86813	9.38047	9.54293	10.512
WDR65	0.037911	0.0221512	0	0.0177961	0.034628
SPPL2B	6.81099	6.54299	5.54837	8.87975	6.83161
FGF11	1.43242	1.09618	2.11043	2.03773	1.31425
GPR4	0.0228948	0.0317451	0.0281867	0.0191583	0.0590013
C9orf169	2.43039	2.82907	3.07682	2.6086	3.54054
KPNA2	75.1001	70.8677	100.989	107.173	72.0614
DES1	16.182	15.4453	22.5483	22.7743	16.3771
SLC22A15	0.82686	0.555236	1.71084	1.43841	0.743883
FBXL13	0.0810546	0.132337	0.0956025	0.125691	0.12198
LOC100128338	8.15339	9.15957	11.8376	11.2425	11.0133
RRP15	0.774232	0.874201	1.01639	1.07126	1.06213
TSC2D3	5.19867	6.42179	19.5294	13.079	5.53887
PSMB9	14.1556	15.4761	13.5178	18.0912	15.5978
TMEM44-AS1	1.24423	2.01558	1.8763	2.00451	1.96859
SF3A3	30.7413	29.6411	35.9645	41.0384	35.0659
KLF10	8.52937	10.1783	13.0897	12.8083	10.0156
TFB2M	12.0728	13.2567	16.1091	16.7124	15.8978
CPSF3	20.6684	18.0447	23.0251	27.032	21.0144
ZNFX1	2.17402	1.89842	2.36535	2.7951	2.00921
UBL4B	0.173494	0.0875876	0.105566	0.108349	0.213219
KIAA1737	2.78423	2.49195	3.37459	3.48805	2.90683
EIF2S2	65.0089	56.5616	115.978	100.137	66.0733
TTC32	2.77206	2.73739	3.29166	2.9278	3.96322
ID1	31.6487	81.1473	22.5806	46.9648	66.0771
INO80	2.73481	2.59782	3.1877	3.54754	2.809
SMO	0.0206927	0.0694313	0.0877041	0.0519844	0.0506251
ADHFE1	0.186045	0.322175	0.266062	0.167422	0.374026
CATSPER2	0.866969	0.753313	0.549503	1.07988	0.876634
LEF1	6.62713	5.94023	8.19754	8.51036	7.44805
FSCN2	0.0952263	0.203658	0	0.158283	0.0371138
SLC35G6	0	0.0936383	0.0415944	0.0574868	0.0430988
AHRR_PDCCD6	76.5158	81.9368	85.699	103.798	80.2443
MORC4	7.1188	6.80832	7.93275	9.96832	7.47226
ZMYND8	2.13543	2.14675	2.1105	2.69071	2.67091
EBNA1BP2	70.9087	73.7304	75.7628	95.6605	78.9576
WDR61	22.5863	21.2115	24.2463	29.2251	25.1786
ATP8B1	0.0234125	0.0226177	0	0.0195035	0.0214015
SCO1	16.4432	16.8356	17.3128	21.8206	19.8047
STK4-AS1	0.0115364	0.082971	0.0288697	0.0385851	0.0466235
TIGD2	2.35872	3.23704	3.30502	3.7551	3.59175
DMRT2	2.26568	2.0991	2.64994	3.06662	2.32011
SRSF1	15.4415	15.3697	23.4372	22.7421	17.6173
PLK3	10.658	17.5312	12.6043	15.1355	18.4494
PCGF6	9.03193	6.94619	10.2249	11.9759	8.54166
C16orf93	3.20359	3.08442	1.97582	4.22861	2.32697
B3GNTL1	6.45309	3.89103	5.85169	6.97145	4.43005
RBM3	53.8914	58.7342	71.3471	75.8011	59.1635
AMH	0.151668	0.096846	0.401821	0.447423	0
TTPAL	3.35878	3.71265	3.8511	4.23019	4.1788
LOC100507032	1.58635	0.933546	2.25185	2.11634	0.775959
TMED2	68.1141	83.8462	78.2458	84.6829	102.358
FAM69B	2.3962	2.37354	3.82556	3.71745	1.99241
PBDC1	19.1194	20.2608	19.7744	22.4774	23.5087
SSB	45.4203	40.9325	48.3944	57.4992	47.4008
FAM215A	0.189293	0.0853437	0	0.105529	0
MAD1L1	9.32619	8.67576	8.82015	11.9354	9.02523
UTP15	2.95515	3.20834	3.96949	3.91799	3.87109
KCNAB3	0.759738	0.592043	0.588695	0.928368	0.583228
LRRC40	4.08836	2.81818	4.07686	4.88229	3.70712
IFT74	3.47141	2.93972	2.62536	3.45152	4.14457
TAS2R14	0.139689	0.293483	0.10706	0.0931569	0.198345
RGL1	0.213578	0.290634	0.322236	0.326624	0.477568
PFKFB2	1.53299	1.43226	1.65958	2.11355	1.59205

SATL1	0.583452	0.367423	0.449031	0.642344	0.602892
AVEN	4.08733	6.11552	6.07967	6.3372	6.14048
C17orf47	0.0233863	0.0161871	0.0286941	0.0193082	0
MMRN2	0.361143	0.231373	0.196805	0.294133	0.417865
ZEB1-AS1	3.29756	2.20591	4.60803	4.92378	2.33497
VHL	14.4279	15.2372	20.399	20.9029	16.3383
PTPLB	0.496576	0.294788	0.685121	0.415071	0.739749
PPIEL	0.16754	0.121393	0.0526352	0.157808	0.212197
TEX14	0.0279956	0.0258433	0.034463	0.0384381	0.0422744
ARPP19	12.7852	15.6733	13.2442	15.1751	19.3181
PDIA5	7.48365	7.65125	7.99752	9.04436	9.74942
DDX5	55.8925	63.4615	70.7658	78.1931	72.8502
CARD8	2.28292	3.09744	2.4195	2.97607	3.04642
REM2	0.398611	0.398011	0.237629	0.368553	0.435371
SLCO3A1	1.87129	2.12155	1.86487	2.34444	2.19946
ZNF326	4.72134	4.37161	4.93403	5.96498	5.18213
CLCF1	3.60649	7.07239	5.24337	5.9122	7.33016
USP15	3.65726	3.57694	3.57994	4.62308	4.1647
ANKRD24	0.316034	0.147271	0.135476	0.300112	0.168628
MYEOV	8.14452	5.66315	9.50702	9.2574	6.92597
DBN1	99.7378	93.99	107.361	130.953	104.22
CATSPERG	0.191378	0.226573	0.161857	0.319205	0.197647
AHNAK	15.1949	15.9152	12.6365	17.2063	19.0297
MAP7D3	4.99619	5.00583	4.59337	6.1142	5.53585
METTL9	18.7269	22.5168	21.9953	22.2928	28.7492
TRDMT1	0.419752	0.456707	0.576176	0.573962	0.467766
KCTD15	8.71345	10.5479	11.8326	12.89	11.6594
TXNRD3, TXNRD3NB	2.66661	3.65857	3.20392	3.86322	3.92335
RBM45	3.90352	3.9294	5.78322	6.48952	4.17391
IPP	0.946128	1.43571	0.768806	1.05515	1.59282
SOWAHC	5.61535	5.42457	8.16515	7.94677	6.42397
TMEM67	1.00765	1.18348	1.54202	1.56855	1.26421
RPL7L1	15.8026	14.0252	17.0433	16.8102	20.1941
SNAI1	9.75166	10.1578	6.98044	11.3253	9.40741
GJA9,MYCBP	7.66274	8.38531	8.04444	9.74148	10.6593
ZBED3	0.29884	0.776713	0.992685	0.744616	0.962787
NOP14-AS1	1.58234	3.4994	2.63257	2.75511	3.38908
CPLX1	5.95875	3.99496	6.09908	8.5059	4.34759
FMNL1	0.0618956	0.0269462	0	0.0512187	0.0372161
ATP2B1	1.35402	1.11328	1.45645	1.44929	1.46767
UCHL5	10.7595	8.79853	10.6393	14.1067	10.652
RIPK1	4.15449	4.94489	6.317	5.96211	5.69815
ZMIZ1	2.06367	2.02565	1.6836	2.54692	2.24386
RAC1	100.324	110.347	102.714	124.114	128.324
PEX5	29.1763	28.9791	32.4606	38.7038	32.4358
PTPN1	19.1495	18.7738	20.0916	23.3712	23.6619
STAR	0.0600775	0.0841408	0.0746659	0.117162	0.0917242
BEST4	0	0.134027	0.143669	0.198621	0.0989414
NOV	2.66922	4.12106	3.38392	3.80312	4.21947
NUDT9P1	0.176086	0.198753	0.321619	0.426422	0.160245
ZNF839	4.26309	4.33886	5.43582	6.48065	4.45705
NBPF9	0.94892	0.82517	0.977533	1.126	1.34381
DEPDC7	1.52415	1.50309	1.59197	2.07648	1.57358
ACAD11, NPHP3	8.95308	9.01472	8.13435	9.82502	10.9755
C22orf43	0.186814	0.128891	0.184097	0.218023	0.215849
FIP1L1	10.0372	8.14397	8.79941	12.5764	8.31184
ELFN1	2.27678	1.7544	2.01449	2.38352	1.98146
RWDD2B	7.81419	9.56191	8.2737	10.4427	9.67499
RSU1	9.07109	10.1365	10.4793	11.9514	11.2718
UXS1	8.34625	8.49165	9.99297	11.1712	10.1141
HPDL	7.07097	14.4172	10.3358	11.704	14.3191
LINC00311	0.051317	0.0469348	0.083729	0.114332	0.0435839
ANKRD6	0.061675	0.0253124	0.0665075	0.0732321	0.0479713
FN1	0.0229877	0.0200259	0.0269061	0.0334894	0.0259831
IFNE	0.179564	0.0885885	0.0757712	0.223562	0
HOXC9	1.58388	0.965971	1.26913	1.55705	0.97132
PMS2	1.14759	1.17841	1.39332	1.58781	1.5919
MAGIX	1.04193	0.810716	0.557486	0.681344	0.90484
B3GNT7	0.102743	0.249997	0.0624887	0.172213	0.217729
FAM98A	9.46918	9.23199	11.2553	12.3254	10.639
SUSD5	0.0239836	0.0547905	0.00602001	0.00802984	0.051142
SRSF6	14.9571	28.1357	25.1013	23.3671	31.0539
DTWD2	0.505034	0.447513	0.451641	0.437451	0.690011
SPATA6L	0.379326	0.414783	0.686781	0.593249	0.512375
ABCB10	2.84095	2.86495	3.07684	3.5828	3.57013
LINC00094	1.85291	2.7185	2.36834	2.51335	3.10736
AGSK1, LOC727849	0.013776	0	0	0	0.0165912
SKIDA1	0.141052	0.287679	0.109125	0.173479	0.310431
ZNF285	0.0224499	0	0.0281392	0.0373168	0.0100221

TAF1B	3.86165	3.23228	3.9412	4.67311	3.94802
SHANK1	5.46992	4.76458	4.51877	6.938	6.24573
FAM222A-AS1	3.43794	2.88536	3.65739	4.9702	2.0139
MYO15A	0.0127414	0.0210557	0.0190887	0.0106277	0.0307682
FBF1	1.09614	1.1233	1.17587	1.49152	1.40832
C21orf119	5.41641	6.10757	7.53513	7.47847	7.18623
NGAMT2	7.20531	6.70685	8.18301	8.66768	9.13733
C5orf24	4.30882	4.90907	5.64777	5.72076	5.7476
SUPT16H	27.4361	24.4146	26.6948	34.8325	29.5416
CCDC24	7.41873	7.11199	7.43147	9.71252	8.87638
NBR2	1.19141	1.3069	2.39142	2.09664	1.24264
ITPRIPL2	2.49187	3.31583	4.92841	4.06259	3.65962
VPS13C	1.19982	1.06934	0.995293	1.19129	1.40554
AUTS2	1.6437	1.72052	1.42183	2.20963	1.8147
DHX36	5.85355	5.6244	6.22183	7.69975	6.07061
NUPL2	9.61582	7.98919	12.3446	12.9012	8.73551
COL10A1	0.013956	0.0397213	0	0.0116167	0.0281951
ZNF551	0.504692	0.924165	0.723349	0.7675	1.05401
IGFBP6	195.42	264.952	145.323	220.388	284.484
RPS10P7	1.49098	1.32524	2.23613	2.15451	1.37215
DUSP18	0.366511	0.366836	0.191819	0.337405	0.353505
CSTF2	8.78798	6.99522	9.79702	11.0769	8.06533
MX1	6.70537	8.02611	7.34087	10.4201	7.47217
ZDHHC21	0.951785	0.660797	1.05875	1.27077	0.819752
KLHL21	27.9486	34.0792	33.1789	35.4632	34.6437
PARS2	4.3455	4.47675	6.17661	5.95133	5.29175
PANK1	0.255545	0.136935	0.424961	0.382967	0.277004
LOC100131094	0.220866	0.380669	0.17178	0.391816	0.334339
PLCD4	0.385754	0.293401	0.441298	0.558835	0.398248
GART	28.9466	23.3626	34.7523	37.7978	29.1255
ZC3H8	8.59033	7.59797	12.0169	12.0112	9.00899
FAM107A	0	0.011647	0	0.0139762	0
LOC100505549	0.530097	0.609941	1.29483	0.884298	0.759449
PRR3	4.15193	4.63731	6.05255	6.19213	5.6464
KLHL29	3.8655	1.80835	4.16211	5.2649	2.24474
TERT	1.20674	1.02176	0.673041	1.37087	0.985129
FKBP5	6.3554	5.36192	6.94876	8.84396	6.39136
NPL	0.725458	0.798132	0.917065	1.08664	1.04937
ZADH2	5.88612	6.28957	5.25663	6.85913	8.26872
MCMDC2	0.112515	0.204072	0.149234	0.161437	0.182303
RNF6	11.2288	9.02757	12.7407	14.0011	10.6766
CA11	11.1749	12.1827	12.0645	14.1479	13.3072
ETF1	22.16	23.7429	35.6749	33.7884	27.4095
CCDC96	0.101349	1.08834	0.262977	0.362132	0.863879
C17orf97	5.79849	4.87138	7.72044	7.72805	5.65677
MBTPS2	2.29347	2.21994	2.44733	3.04374	2.53748
LANCL3	0	0	0.021063	0.0139257	0.0114398
DNHD1	0.79934	0.695914	0.5811	0.830121	0.91528
NFKBIZ,NXPE3	15.686	14.1457	15.745	17.7701	19.3036
TAF12	31.2585	35.427	31.6402	41.2796	33.5184
CCT2	151.686	154.765	190.65	205.606	177.44
ZNF514	1.13319	1.00997	1.48715	1.63426	1.25999
PRNP	18.7832	21.7607	36.0281	31.257	25.6118
UTP14A	8.51342	7.75745	12.1607	11.3754	9.33034
CCDC103	1.29266	1.43963	1.29544	1.51156	1.66231
IMPACT	3.22421	3.93668	4.21871	4.25871	4.50417
CDH12	0.0254411	0.0435845	0.0445385	0.0507179	0.068222
LOC100130231	0	0.00600838	0	0	0
TIMMDC1	31.1486	30.1215	34.8359	40.2247	35.1535
TRIM72	3.43414	3.49694	5.55855	5.77372	3.98703
LTB4R,LTB4R2	4.86671	4.05617	3.76645	7.23966	4.092
LOC399753	0.270038	0.167974	0.120283	0.163127	0.294864
ZNF691	7.71682	5.67825	9.88681	10.7526	6.44867
LOC100506714	1.03454	1.3035	1.68592	1.79374	1.15469
VWA5A	3.41782	4.16415	3.19235	4.36866	4.61862
HBS1L	4.53929	5.30312	4.54521	5.27527	6.90955
THNSL1	10.2667	10.097	9.53384	11.0405	13.3513
PHGDH	83.0487	75.1276	159.076	151.872	73.7293
SRD5A1	2.09522	2.78542	3.52397	3.2059	3.24676
PAPL	13.4904	7.34407	17.8462	20.9523	8.35297
SLC25A37	24.5904	23.7925	20.1497	28.746	24.6252
UBXN11	11.0114	12.6877	9.70855	15.7391	13.5589
C21orf67	1.21053	0.610185	2.3534	2.35674	0.999875
ELOVL6	8.26572	6.06626	6.94556	9.64297	7.70844
C15orf56	1.0224	1.86646	1.61614	1.5163	2.03235
ATF7IP	2.03213	1.68776	2.17488	2.70366	2.04155
SRPR	19.108	20.9444	19.2161	22.682	27.0634
DNMBP	1.65414	1.69014	1.65573	2.18103	1.92926
GSTO1	535.81	512.621	612.046	680.398	542.23

ZNF846	0.233747	0.288147	0.359244	0.35251	0.372139
BAIAP2	15.9741	13.0441	18.1849	20.7898	14.6467
SFXN4	39.0099	41.6665	50.5883	50.363	49.9949
NOL9	5.55002	5.1	6.90316	6.8875	6.126
DSEL	0	0.00331789	0	0	0
MLLT11	0.548287	0.470753	0.672746	0.504599	0.706138
CCDC138	0.969412	1.0006	0.794772	1.13787	1.15488
OGFOD1	10.5089	12.864	13.8655	15.4801	13.3334
THOC5	23.2794	22.7575	27.5404	34.4286	21.6969
LINC00467	8.67658	7.19829	8.31126	9.81605	7.65135
LRRC56	2.16534	2.27216	2.2118	3.1752	2.65191
NOX1	0.066355	0.0323679	0.0276034	0.0733843	0
GDAP1	1.48855	1.38316	1.54983	1.76786	1.48012
LYRM5	4.67179	6.63963	7.91957	7.06767	7.90401
SLC6A10P	0.0425951	0.011461	0.0206425	0.014279	0.0313152
ZNF747	4.39497	4.97728	7.0828	7.44925	4.64605
C9orf64	7.70777	6.67832	11.5592	11.5457	8.86558
CCDC74A	11.6589	12.5126	8.61025	13.3625	15.0179
SLC18A2	0.791942	1.16467	1.09716	1.23719	1.01881
LOC145783	0.118808	0.178751	0.145329	0.196801	0.111329
SHE	0.00388854	0	0.00491754	0	0.010698
APOE	0.456113	0.573923	0.933788	0.85521	0.454781
SIAE	5.68734	8.83981	5.88431	7.87802	8.64304
PPAP2B	0.386186	0.601742	0.225619	0.387439	0.686099
EFR3B	0.205608	0.185235	0.145723	0.254194	0.186191
LRRC37A4P	1.07817	0.926539	1.04305	1.39026	1.12107
SUV39H2	4.45814	4.18358	6.01099	6.39085	4.52947
SYT7	2.31428	2.58317	2.78027	3.43257	2.6305
NTSR1	7.00973	6.28475	9.05413	11.4767	6.32699
TXK	0.156237	0.0972065	0.0374344	0.148225	0.0716489
COQ4	61.3232	70.5961	77.5226	94.4344	69.498
VMA21	7.65799	9.40409	11.1252	11.0703	10.474
CITED1	10.3301	10.9471	10.2926	14.0636	12.239
CAMTA2	13.8665	14.9154	23.1839	24.5064	15.186
ELK3	7.89285	8.76149	8.74141	8.34592	11.1537
STOM	0	0.013792	0	0	0
SPDYE7P	0.984249	1.06139	1.31019	1.41415	1.1795
NKAIN1	1.83718	2.06227	1.8868	2.75256	1.94744
TMEM37	0.154008	0.216533	0.119252	0.0971248	0.32598
CCNE2	1.9338	4.155	2.5328	3.23163	4.85635
PODXL	24.9895	26.6934	19.6379	31.3863	23.6463
DUSP23	15.9954	33.8229	21.8605	26.7962	32.4523
LOC100130691	0.0838989	0.1226	0.117029	0.147128	0.109415
NFIA	1.08169	1.10052	0.997436	1.38095	1.28801
URB1	3.8929	3.44721	4.55005	4.9527	4.03674
GNRHR2	3.34808	4.64654	5.05735	5.24678	5.06277
EXPH5	0.307096	0.214557	0.29911	0.393296	0.247466
WDR60	2.20734	2.19755	1.86644	2.67178	2.88803
LOC729737	0.327646	0.155201	0.268285	0.383897	0.222898
HPS5	1.67703	1.24696	1.78504	1.89526	1.75048
UBXN8	4.77045	5.2961	6.2172	7.04191	6.04955
FIBCD1	3.70448	7.18517	4.9992	4.75096	8.08988
BMP3	0.0647904	0.103998	0.0366818	0.0884038	0.0876596
CLEC17A	0	0.0173523	0	0.0210075	0
C1QTNF6	0.655259	0.930899	1.14841	0.929549	1.30464
ACADM	9.49246	9.62977	9.97824	12.4547	11.4748
LRRC66	0.0140708	0.0395534	0.0956924	0.0698804	0.074067
ENTPD2	126.968	150.181	118.037	164.56	156.727
GAPDHS	0.0691188	0.21817	0.279162	0.231501	0.25543
SHQ1	4.29092	3.6592	4.64799	5.35892	4.37858
TSPAN1	0.215017	0.0996378	0.374038	0.208321	0.278007
ZFP2	0.225012	0.334248	0.32385	0.483402	0.351191
FBXW9	9.01279	8.36372	8.86779	9.59304	10.6638
HOXD8	2.81041	2.15786	3.12089	3.06523	3.00616
LRRC27	2.83685	3.36717	2.72255	3.36709	3.96544
FLJ12825	0.157771	0.18402	0.141033	0.224769	0.120375
UNC13D	0.981423	0.617189	0.70929	1.34738	0.730313
PSMG4	24.7272	28.5268	31.2821	39.5221	27.4718
IPO4	31.9382	32.5495	32.1762	40.7276	37.3111
TDG	3.73639	3.93025	3.6452	4.28901	4.94487
KIAA1377	0.0734672	0.0988	0.0574591	0.103519	0.0898322
BCL2L1	104.79	116.71	119.168	149.959	117.953
LINC00857	0.835784	0.917166	1.02541	1.28067	1.04538
PFAS	8.92733	7.49459	9.28509	12.1942	8.42047
GLI1	0.170801	0.397634	0.186097	0.362672	0.328488
INHBB	0	0.015728	0	0.0190848	0
ZBTB21	2.99013	1.74157	2.94101	3.74078	2.14551
C3orf43	0.0249728	0.217799	0.0793038	0.166904	0.0679327
FANK1	0.801631	0.790207	0.680789	0.854532	1.27891

MFHAS1	1.23932	1.49741	1.7554	1.83781	2.02775
CSNK2A3	0.237049	0.157514	0.256903	0.288792	0.169134
NOP58	29.7782	33.1734	43.6411	42.6335	38.1527
MUC5B	0.0314681	0.0690974	0.0224755	0.0494005	0.0970077
EPT1	3.2805	2.5692	3.93778	4.26755	3.14298
CHM	1.74515	1.40093	1.8062	2.04502	1.66435
TRNT1	6.37322	5.51495	8.65462	8.58201	6.88264
ZNF324B	1.98074	2.62088	2.10073	2.71528	2.68407
MBNL3	0.266073	0.281838	0.261629	0.360152	0.299971
GRK7	0	0.0241613	0	0.0293595	0
EXTL2	4.45796	4.676	5.86644	6.21669	5.95246
SYCE3	0.794441	0.131702	0.117067	0.160577	0.242147
SPEF2	0.440157	0.427294	0.569811	0.613387	0.495053
RBMX	106.903	103.944	168.567	160.626	114.633
MRPL1	7.36094	7.23346	9.65841	11.356	8.3203
NRBF2	5.09047	6.07462	5.97345	7.13853	6.26652
PYCRL	18.7976	18.9504	22.979	26.0661	22.9497
NRIP3	0.0252591	0	0.0158727	0.0105101	0.0170394
ADAT2	2.51606	2.10953	2.30906	3.3118	2.29115
SPRY4	51.1127	34.3398	56.37	68.4037	41.2072
LOC100130894	0.147832	0.132608	0.0261863	0.0881095	0.13647
RBCK1	26.6666	24.7338	50.974	49.4633	24.6602
TRIP4	6.37105	4.72246	6.21223	8.28798	5.98457
LYSMD2	9.12038	8.70276	10.5354	12.8161	9.27105
PCYOX1L	4.56076	4.27674	4.84526	5.54013	5.85491
MOGAT3	0	0.0432752	0	0.0526482	0
TRIM74	0.999654	0.589029	0.698737	1.20637	0.470381
TRIM59	0.0964127	0.0725115	0.0831483	0.0719404	0.0611111
FBXL2	0	0.0373922	0.0215996	0.0142743	0.0117168
EDF1	699.254	752.364	918.156	1099.74	694.297
SPIN3	1.24084	1.72964	2.1098	1.93397	2.05816
PXN	94.6393	95.0957	86.5807	120.043	108.173
C22orf46	1.45255	1.17311	1.74759	1.98557	1.24412
SMIM6	0	0.174924	0	0.139189	0
FILIP1	0.00441366	0.0122241	0	0.0144947	0.00579353
FAM175A	4.80678	6.20589	5.59773	5.91122	7.44526
FUS	32.7232	41.9988	47.1991	56.1543	43.1914
CCDC15	0.0697867	0.0500558	0.0933315	0.106733	0.109413
GAS8	3.74277	4.62951	4.36526	6.20375	4.44894
DAK	8.27291	7.26312	8.86098	10.5916	9.06757
ARRDC4	0.635631	1.59594	0.76539	0.842339	2.13587
SYTL1	10.446	17.4529	12.796	16.7654	16.8594
B3GNT6	0.019317	0	0	0	0.0236655
EPHX4	3.99032	4.90086	5.27967	5.70847	4.60161
LOC100287036	0.202381	0.172038	0.0924277	0.251778	0.0962636
TSLP	1.00368	0.583263	5.98146	3.15943	0.989139
ITGAM	0.0434006	0.0170429	0.0151439	0.0516851	0.00787007
CCNE1	10.4008	12.1214	14.2724	14.7105	14.8748
RAB6A	22.3555	20.8435	21.35	24.8856	27.9609
LOC284080	0.0895754	0.223339	0.0988614	0.116896	0.24501
RNF32	1.52781	1.43539	1.8312	2.24823	1.78797
TTL1	2.74194	2.75383	2.83425	3.60008	3.35726
ST7L	2.65707	2.67265	3.81785	4.30903	2.96235
ABL1	35.2881	36.1435	33.6561	44.3921	41.6341
LOC100272217	0.708464	0.393328	1.13003	1.0275	0.357868
UROC1	0.00997523	0	0	0	0.0122318
AMHR2	0.0224068	0	0	0	0.027476
TOR1AIP2	14.5018	16.4272	15.8172	18.6016	19.3502
FN3KRP	13.3503	16.7872	13.221	16.0491	20.6301
SNAP23	18.6442	19.299	25.0493	26.276	23.2814
CABP1	1.37556	0.800099	1.58887	1.8408	0.9963
SLCO1B1	0.124407	0.0104248	0.0800446	0.150261	0.049941
LRRC73	2.71761	2.5667	2.14999	2.99426	3.299
CASC4	7.82647	8.22844	8.09532	9.45884	9.982
AKAP5	0.0965377	0.106905	0.0957254	0.104052	0.172507
ZGLP1	1.82192	1.25832	2.35	3.07286	1.4237
PNO1	8.97466	12.9983	13.1955	14.6584	11.9981
ALKBH8	0.818647	0.700353	0.988248	1.06821	1.02545
LOC100507501	2.67433	1.95731	2.63929	2.86049	2.88202
PTGES	0.128581	0.101598	0.112477	0.0924037	0.165097
ZNF195	5.61402	6.3919	6.08726	7.75553	7.51788
WDR96	0.0486432	0.0480268	0.056271	0.0557127	0.0252322
RBM34	21.1145	23.14	22.7359	28.5013	26.8543
LOC100129794	1.1243	1.10082	1.21515	1.28413	1.51867
RASL10A	0.509873	0.219718	0.133034	0.659981	0.200722
LOC100506054	4.68542	4.69768	6.85309	6.26462	5.50612
UCP3	0.291317	0.110745	0.208232	0.402283	0.265206
FONG	1.15579	1.20642	1.46657	1.4553	1.94265
SMPD2	9.02785	9.64449	9.90315	12.61	10.9509

UNC5B	1.78814	2.15812	1.59299	2.37504	2.41454
HOXD3	0.906998	0.595606	1.01455	1.0489	0.961335
CYB5D1	3.83428	5.19311	4.18018	5.01102	5.98617
TUBE1	4.95591	3.81292	11.2236	9.53906	3.86943
LOC100133091	3.77909	2.6524	4.38473	5.40294	3.46458
MOV10L1	0	0.0384349	0	0.0469717	0
LIMS1	3.28779	2.83663	3.08245	4.18797	3.356
GOT1	14.9682	14.9387	50.1002	40.2407	12.4835
SYTL3	0.430523	0.446773	0.582591	0.45951	0.692264
ALS2CR11	0	0.0183997	0	0	0
ZNF37BP	1.91305	1.67265	1.90687	3.03877	1.97081
EIF3C,EIF3CL	0.0277067	0.0122436	0.0333697	0.0304832	0.0113448
CHRFAM7A	0.0355381	0.0164472	0.0435975	0.0395039	0.0153117
VSTM5	0	0.0848758	0	0.10385	0
ADCY7	6.22666	5.15691	6.02881	8.24193	5.4706
SOCS4	1.96372	2.1285	2.90355	2.97421	2.56848
PLEKHN1	1.95836	1.9993	1.73953	2.87667	1.75021
EPHA10	0.817642	0.588333	0.882774	1.05537	0.81608
C12orf61	0.0511919	0.470482	0.379981	0.429452	0.270466
LOC100505622	0.0578929	0	0	0	0.0712985
HERC5	0.0640177	0.0276561	0.0564335	0.0638221	0.0610622
NIPAL2	0.244958	0.137051	0.23636	0.273453	0.192506
MID1IP1	19.665	23.5077	33.8763	32.9564	26.2314
ZNF738	0.696697	0.637138	0.71426	0.937977	0.714614
PFKFB1	0.134759	0.139035	0.154609	0.195715	0.085876
FBXO15	0.390493	0.539612	0.451689	0.500981	0.340884
DISP2	0.601556	0.826437	0.594424	0.684489	0.830534
ZNF595,ZNF718	0.359018	0.408006	0.490816	0.611605	0.573417
ODC1	156.978	175.445	181.503	208.493	197.913
SAT1	100.24	85.2591	124.231	134.257	91.4675
AMDHD2	22.5809	20.145	23.9428	30.3265	22.2513
ISG20	45.9462	35.2759	45.8733	50.7962	42.1566
LOC401052	1.38362	1.48783	1.74355	2.07859	1.53894
IGF2BP3	5.57507	4.36716	6.42509	7.50958	5.72789
CCDC106	0.703983	0.725273	0.827351	1.12201	0.632284
RAB9B	0.12788	0.14008	0.0924962	0.148946	0.0940513
LPAR6	0	0	0.0111312	0	0
SHOX2	0.0658267	0.147309	0.139157	0.138607	0.0776748
ICAM5	2.06708	1.9829	1.86622	3.23129	2.11556
ZNF814	1.27732	1.13751	1.41435	1.99106	1.20323
KIF9-AS1	0.213906	0.297532	0.238119	0.249354	0.33223
TUBB3	69.3907	77.2828	62.8308	80.4273	79.5489
SRRM2-AS1	0.160496	0.390978	0.191323	0.240238	0.336921
SH2B3	9.38516	9.34633	14.0499	14.5336	11.1397
FAM157B	0.0381225	0	0	0	0.0470681
MLKL	7.32622	6.50528	6.97768	9.21109	6.8633
LOC100506124	0.386653	0.352866	0.343178	0.357885	0.485283
C2CD2	26.4332	24.4649	19.6996	29.5842	31.073
CDKL3	0.711006	0.706354	0.644871	0.828808	0.568359
LOC642361	1.41651	1.47852	2.81179	2.50632	1.89687
MUTYH	9.3683	9.90898	12.3006	14.8271	10.3437
RPS6KL1	1.2974	1.334	1.1869	1.90005	1.49778
SCARF1	0.620209	0.676143	0.459888	0.636326	0.847751
ZFR	7.0067	6.46102	7.55567	8.97978	7.77439
PSPH	6.23892	8.49602	21.2414	16.4323	8.9816
PLEC	15.6349	13.4714	15.5642	21.5824	15.5147
ZNF763	0.8153	0.97151	0.619467	1.31463	0.893785
PPP3CC	0.0471344	0.0670816	0.05858	0.0195541	0.110007
LTA	0.113715	0	0.166583	0.189187	0.116015
PTCHD4	0.0695717	0.202916	0.0792915	0.1159	0.11853
FLJ33630	0.660492	0.841857	1.01449	1.08989	0.908626
ZSCAN32	3.58462	3.87789	5.15189	5.46114	4.41009
CLEC18B	0.266512	0.0251505	0.250786	0.253687	0.184217
DNAL4	9.08487	10.2853	9.12494	11.2675	11.1837
ZC3H4	4.85638	4.73305	6.47913	7.54103	5.03993
AGAP7	0.268516	0.354459	0.474264	0.49967	0.533335
GIN1	0.923641	0.825586	0.977718	1.04691	0.920088
ALDH1L1	0.0115699	0	0	0	0.0143208
TMEM209	5.25264	4.96847	6.49353	7.06897	5.61622
ADAM9	10.9789	10.5556	10.8354	12.6565	14.4556
ABHD16B	12.3895	7.06122	18.3814	18.9336	8.62541
CNDP2	12.9528	14.0617	16.8422	19.4001	15.4857
GORASP1	7.16085	7.57122	7.20605	8.14338	10.1951
COX4I1	456.273	520.976	459.723	538.722	620.802
APOM	3.08209	3.39746	3.85875	5.33939	3.57501
ARSG	0.645483	0.924445	0.591958	0.947159	0.789187
IQCK	1.99464	2.19834	2.37797	2.57523	2.85338
MRS2	7.04885	6.59195	8.91923	9.04862	8.23788
GPBP1L1	10.6604	11.4797	11.0921	12.701	14.5158

NRL	0.333394	0.436075	0.521264	0.34152	0.664036
LOC644961	0.137065	0.128837	0.0909892	0.106972	0.155773
CAPNS2	0.027015	0.0380051	0	0.0446305	0.0357642
SNORA63	31.0401	84.7172	36.717	44.4237	64.4868
DPY19L2P4	0.0348359	0.0178299	0.0300481	0.038926	0
TCHP	3.93367	3.20831	4.60314	5.7935	3.59353
DENND2A	0.00868463	0.011604	0	0.0142862	0.0107988
LOC649395	0.0128536	0.0370417	0	0.0215047	0.0172297
CCL3L1	0.196987	0.41836	0.121033	0.410388	0.326164
DHFR1L1	0.610159	0.716816	0.929452	0.881945	0.778726
LARS	26.4553	23.412	31.7896	36.1815	28.0381
HLCS	2.30706	2.33832	3.26886	3.46125	2.64789
RCN1	40.1445	52.1859	57.7062	58.4844	60.2744
MICALL2	2.17012	2.74256	1.61681	2.55378	3.12435
ANXA1	195.06	182.881	266.939	300.851	211.165
RASSF5	0.574817	0.658526	0.340147	0.556459	0.862039
N4BP2	0.408664	0.311205	0.366264	0.485334	0.395949
C16orf74	48.3233	40.003	60.3145	69.4058	42.0222
ATG16L2	24.1511	22.7603	14.5507	30.1903	24.6752
ZNF556	0.721279	1.11103	1.37371	0.765987	1.91216
ATCAY	0.00600936	0.00809106	0	0.00995793	0.00750272
CCDC144A	0.00314125	0.00452976	0	0.00518891	0.00431251
GAB3	0.00488171	0.00689046	0.0121602	0.00810699	0.0128756
PSME3	22.8706	28.0366	34.4864	36.3224	30.9826
GLIPR1L2	0.0617864	0.056851	0.103948	0.191934	0.0607198
RDX	0	0.0226572	0	0	0
FAM208B	2.21672	1.58734	3.29595	3.53158	1.74294
SFPQ	39.5103	35.7738	79.5235	70.6884	42.6079
NMD3	12.19	10.8142	12.8518	15.2408	13.1328
OSM	0.0205113	0.0274935	0	0.0342134	0.0253053
CATSPER3	0.595854	0.478338	0.707255	0.921817	0.384593
CDC123	119.901	107.247	133.211	165.001	125.571
CN5H6.4	0.121827	0.0837958	0.149887	0.204409	0.128623
ARIH2OS	0.870515	1.61491	1.37225	1.28421	1.82707
SMTNL2	0.0194926	0	0	0	0.0242614
ZSCAN12	0.38813	0.429164	0.686525	0.635932	0.463654
ZSCAN12P1	0.404184	0.375365	1.18901	0.95163	0.361987
GF11	1.64859	1.96411	1.29443	2.15073	2.40864
ACOX2	1.07769	0.694888	0.780166	0.874382	1.16882
HNRNPM	66.5013	58.9411	84.0684	105.264	66.599
CEND1	0.0523858	0.241453	0.0945045	0.221471	0.0313493
SPDYE6	0.22597	0.26676	0.368181	0.532634	0.251114
RPP40	7.15695	9.57432	9.35208	10.0835	10.3551
CDK8	3.06699	2.4889	4.39521	4.8255	3.50205
MYL5	7.16276	9.20301	3.84907	9.14021	9.43214
RAC2	8.5801	9.39047	6.71025	11.9465	8.37452
GK	1.13776	0.611346	1.18602	1.34295	0.947502
PIWIL4	0.25635	0.35624	0.415347	0.415913	0.405765
LONRF2	0.00172634	0.00251552	0	0.00289301	0.00237667
FCRLB	0.163345	0.48809	0.327919	0.36367	0.279961
SNX19	1.57165	1.65677	2.27109	2.56678	1.84443
PYGL	43.7153	49.9757	44.3211	50.1018	65.7909
UTP11L	18.0698	18.4429	20.207	26.3207	20.9816
GPX7	0	0	0.0591195	0	0.0312456
SPEF1	0.187578	0.204418	0.0742596	0.209141	0.262458
ZNF521	0.0704541	0.0265805	0.0410236	0.0861041	0.0185336
C5orf28	1.81918	2.28851	3.59187	3.50141	2.52467
SLC9B1	0.259569	0.238954	0.15656	0.199341	0.124983
ZNHIT2	13.3984	19.9086	25.9641	21.9852	21.7994
SLTM	6.21533	6.0938	8.2252	9.76301	6.80069
C1QTNF1	10.0877	11.1113	10.7703	14.4113	11.8575
DTD2	3.06209	4.66079	4.40685	4.60573	5.55303
NUBPL	1.408	1.63859	1.40053	1.9279	2.15517
CXCL1	0.094686	0.170116	0.0596098	0.0391782	0.323773
LOC100289341	0.813918	2.23086	1.27379	1.3816	2.53818
TBL3	28.3815	24.8478	26.3566	36.2961	30.0626
SLITRK2	0	0.00914032	0	0	0
IARS	60.5971	44.3294	86.5953	92.7531	52.3857
MCM3AP-AS1	0.123285	0.125676	0.144044	0.190499	0.14209
CCDC11	1.20847	1.10581	1.37588	1.91421	1.31371
AMDHD1	0.299811	0.413477	0.392382	0.481504	0.405606
NARS	30.0189	28.3474	51.6144	49.3073	33.3983
PRMT5	56.8111	48.4285	72.3985	75.9031	60.4027
MDH1B	0.304971	0.159045	0.185392	0.230195	0.25066
MEGF11	0.0130295	0.0184029	0.0271153	0.0290877	0.0284214
PRRT4	12.4111	11.2837	11.2399	17.6107	11.0009
GTF2H2	0.832376	0.498248	1.02414	1.00265	0.895873
SH3BGR	2.23777	2.94236	2.86844	2.50812	3.30925
DENND6B	2.48044	4.31057	2.02098	3.39627	4.33069

THBS2	0.295563	0.315824	0.365911	0.360784	0.336892
NRF1	3.80669	3.51635	4.10814	7.09255	3.64471
CSE1L	42.7312	42.7204	45.8505	57.5859	51.2817
C5orf22	3.03058	3.52418	3.13252	3.66766	4.48038
PTPRE	0.792557	0.76515	0.986624	1.07362	1.02488
IL11	8.43205	10.3955	9.6726	10.8424	10.4776
SCRN1	0.0133813	0.0383878	0.0280053	0.0596159	0.0238453
MTHFD2	51.7851	41.9245	110.571	102.593	46.1668
CTF1	0.471709	0.705382	0.399802	0.365769	1.15196
TYRP1	0.0150546	0	0.0479996	0.037868	0
MCM9	0.711417	1.08065	0.759941	0.922997	1.21693
PIGP	29.186	26.5716	34.7315	34.8247	31.6167
HCG27	0.439112	0.331818	0.468139	0.706761	0.307706
KIF21B	0.0858165	0.114126	0.0714725	0.111609	0.136498
CCR9	0	0	0.0396748	0.0354113	0.0140771
WDR5B	0.730115	0.956554	1.1342	1.25605	0.886345
B9D1	28.7006	27.7373	28.8789	36.4807	29.5642
LYRM1	10.5112	10.227	13.6129	15.589	11.3545
LINC00346	1.19371	1.41637	1.86474	1.89759	1.60443
GDPD1	3.18358	2.66631	3.32117	4.32998	3.1734
LINC00176	0.497832	0.360486	0.42527	0.80291	0.398895
SLC4A5	2.80316	2.63021	5.90752	5.45787	2.73915
MAGOHB	2.75535	3.02014	3.5004	4.87651	3.02789
ZSWIM8-AS1	2.54576	3.32573	3.08184	4.12506	3.40071
SLC43A2	4.90817	3.87509	3.50903	5.84967	4.98526
SETD6	4.18947	3.72707	5.23463	6.20694	4.30148
LOC100507634	0.238756	0.585154	0.696903	0.689775	0.754947
TEX19	0.424832	0.497714	0.430183	0.706559	0.33575
BCL2A1	44.7296	29.7272	33.1431	44.7723	43.8024
IDUA	4.00313	5.28423	2.98439	6.24522	6.08934
PP14571	0.140102	0.0210119	0.0376023	0.0773994	0.116783
LOC100289019	1.64916	1.27828	2.05116	2.69269	1.77353
GNG12	18.2402	17.3962	24.8315	24.6104	22.3027
TGM2	113.007	141.321	105.736	141.986	161.705
FBXL18	1.33591	1.23977	1.64699	2.08761	1.18584
MMP14	13.7269	18.0123	11.6651	18.071	21.1917
LOC641367	0.0260689	0.0253128	0.0656822	0.0722298	0.0119726
LOC100996307	0.113248	0.27805	0.190708	0.23261	0.206186
BMP4	0.989893	0.702666	0.496213	1.47224	0.333332
GGT1	5.70554	5.27098	5.58564	8.49816	4.3413
STX1B	0.595411	0.648846	0.441817	0.814779	0.694702
SHC3	0.0199114	0.049429	0.0248449	0.0124776	0.0659218
IER2	81.6804	86.3054	134.876	134.066	97.9208
RGS9	0.0813138	0.132406	0.0701567	0.132933	0.101186
TIPIN	4.59126	4.44434	7.23055	6.83657	5.45955
FRMD3	0.0432028	0.0233162	0.0100824	0.0328937	0.0276778
KCNK9	0	0.0493442	0	0.0616616	0
SOCS2	5.10682	7.67562	8.59707	8.43088	9.13401
CCDC70	0.0279482	0	0	0	0.0351456
CLCN1	0.0104092	0	0	0	0.0130901
STAT1	5.09243	5.45041	5.84915	7.30014	6.49908
WNT7B	0	0.0141687	0	0.0177194	0
ABTB2	2.04493	1.61291	2.44922	2.92192	1.88749
HPYR1	0	0	0.0664545	0	0.0359734
ARMC12	0.223273	0.453389	0.270088	0.510978	0.383201
ATG7	5.01758	4.88084	4.67465	6.52953	5.73671
GTPBP4	40.0956	43.6064	44.3668	51.5833	53.5748
LOC100506469	4.32111	6.19577	6.71462	8.29046	5.95309
PIK3R5	0.00720015	0	0	0	0.00906263
KDM1B	2.04658	1.58549	1.76382	2.68786	1.86969
RAD9B	0.203097	0.379347	0.615867	0.582166	0.355162
ZFX2	0.173552	0.177266	0.135326	0.238651	0.18721
EBF4	0.847977	0.860372	0.906748	1.09209	0.932213
DPH3P1	0.804513	0.797887	1.22762	1.1186	1.25104
NHEG1	0	0.0355063	0	0	0
BIRC7	0.0350638	0	0	0	0.0441607
MYO18B	0	0.00463511	0	0.00580484	0
ZDHC1	2.7743	3.93868	3.43859	4.08496	4.4148
WDR92	2.16978	1.92866	2.75386	2.93515	2.31551
SPTBN5	0.0263542	0.00842835	0.0116452	0.0163203	0.0307429
ZNF599	0.296602	0.28647	0.361757	0.419793	0.450348
LINC00244	0	0.0834027	0	0	0
ITGB2	0	0.0168012	0	0.0210668	0
CPOX	10.6224	12.0944	9.22209	13.211	15.4203
C9orf116	20.1146	23.7471	17.4297	24.7889	27.8904
PLIN4	0.27341	0.18037	0.231773	0.474699	0.211434
GFRA4	0.0356113	0	0	0	0.0449364
IPO7	11.1633	10.4876	12.1577	15.3666	11.9414
HBG2	1.0555	0.940018	0.453476	1.31814	0.739535

MAP2K3	41.3458	46.2157	55.1984	65.6314	50.7645
EPM2A	0.457646	0.3093	0.451841	0.465858	0.35305
TEKT5	0.0213701	0.0561054	0.0509736	0	0.0517576
OTOP1	0.0186179	0	0	0	0.0235125
PLA2G2D	0.0163209	0	0	0	0.020612
OXTR	0.229937	0.0604866	0.0606393	0.241656	0.114136
CD37	0.0394573	0.106362	0.0473794	0.193574	0.0493219
PYROXD1	2.178	2.05527	3.32382	3.39051	2.52489
FAM151B	0.314628	0.0963182	0.166352	0.131168	0.2922
KANK3	3.48413	4.22191	2.41852	3.76973	4.90897
IGSF9B	0.159977	0.132184	0.124955	0.250778	0.101759
RASSF8	0.114408	0.0289009	0.204723	0.196705	0.054763
C12orf4	1.69626	1.2493	1.91544	2.44823	1.36778
ANKS4B	0.016341	0.0229632	0	0.0135502	0.0215412
MAT1A	0.00835585	0	0	0	0.0105698
C10orf91	0	0.0866131	0	0.108928	0
LOC100216546	0.207135	0.161677	0.180723	0.260723	0.209976
TSEN2	3.88007	3.09542	7.62295	6.78593	4.67848
SLC4A1	0.0117357	0.0322326	0.014341	0.00980248	0.0223939
ZNF702P	1.27977	1.10143	1.95223	1.95195	1.30043
SHROOM4	0.00436733	0	0	0	0.00552743
C11orf93	1.0616	1.01203	0.889611	2.07898	0.52158
HSF2BP	0.778241	1.68526	0.812456	1.16834	1.38833
C3orf49	0	0.0248077	0	0	0
CARD16	0	0.0530995	0	0	0
MAT2A	14.9519	22.2153	36.4256	32.9127	24.4978
ZNF124	1.35188	2.16515	2.14382	1.90582	2.5329
FAM182B	0.130083	0.0817861	0.103954	0.167004	0.116002
SARDH	0.302928	0.544992	0.404327	0.569183	0.707736
MYH3	0.172648	0.119836	0.192801	0.249515	0.142209
TOP1P1	0.101128	0.0410062	0.093908	0.10774	0.0909853
CHST5	0.587221	0.261763	0.361533	0.769056	0.361638
PDE3B	0.763001	0.698211	1.04496	1.15966	0.934605
FAM90A1	0.359552	0.723425	0.414573	0.68215	0.493242
GALNT15	0	0.00743591	0	0	0
MIR1282	34.8351	45.5947	0	0	101.985
CTRC	0	0.0558606	0	0.0703901	0
PSIMCT-1	0.858015	1.13939	1.07537	1.32733	1.2001
PDIA2	0.171946	0.162449	0.117385	0.20497	0.238568
CNKSR1	0.448011	0.272853	0.459798	0.661738	0.349092
PAMR1	0.0102367	0	0	0	0.0129839
DCST2	0.116359	0.198632	0.0709222	0.219795	0.21704
EIF3J	12.553	11.7641	16.2089	18.5081	13.1726
ADPGK-AS1	0.0621957	0.0691942	0.0609815	0.0206575	0.113169
PFN4	0.190618	0.316528	0.278636	0.378118	0.349258
RHOF	117.868	112.518	101.622	152.194	129.415
ERGIC1	62.2625	84.4656	60.5342	83.7069	91.9652
IPO11_LRRC70	8.91679	8.81786	8.2119	10.9801	10.8484
ZRANB2	10.7497	10.3984	14.7819	16.3423	12.2117
ATF4	265.814	355.05	601.287	529.622	356.886
ZNF658	0.152202	0.225863	0.225314	0.282313	0.249754
LOC642852	0.822502	0.563401	0.915668	1.18703	0.826458
OGT	14.3566	13.5393	17.8575	22.2697	15.8795
SARS	115.439	102.151	220.961	226.923	101.651
LDLRAD3	2.36231	2.52415	2.63836	2.93107	3.27193
KIF24	0.482568	0.454792	0.796482	0.963314	0.566845
SRCIN1	0.600934	0.447554	0.527843	0.845562	0.489922
NAPG	3.94307	4.15848	4.59289	5.13417	5.35731
ZNF280C	1.66199	1.27325	1.96515	2.50312	1.41133
CASP8	4.47128	5.09055	5.89187	6.83008	5.85902
CD247	0.0364513	0.0249654	0	0	0.045845
ZNF32-AS2	0.506365	0.597431	0.311716	0.464145	0.63283
MGARP	0.16531	0.372118	0.202685	0.441327	0.244635
HSD17B6	0.417599	0.526909	0.540159	0.72106	0.362311
PYGB	15.9037	16.6245	22.306	25.8491	17.5503
SHMT2	202.896	212.589	316.501	340.019	220.641
TTC30A	0.0492843	0.087521	0.107003	0.0577939	0.109941
KRTAP2-1	0	0.108442	0	0.137331	0
TMEM88	0.75321	0.921294	1.57077	2.19437	0.389036
ANP32A-IT1	0.0213456	0.0101609	0.0178019	0.011887	0.0381532
EPHA8	0.0346481	0	0	0.0438638	0
FABP5	197.719	210.858	214.76	279.513	236.562
IZUMO1	0	0.0275006	0	0	0
LOC100131691	0.243237	0.188588	0.369186	0.419995	0.241979
PRKACA	18.4688	23.2141	17.0428	28.1229	23.754
SV2A	0.0198062	0.036896	0.0326961	0.0221797	0.0681763
GPR158	0.128225	0.0498234	0.287001	0.252941	0.103835
PAPSS2	0.139659	0.145612	0.143615	0.201426	0.19736
KCTD12	1.39719	1.80721	1.62434	2.14677	1.91249

ZSCAN18	0.0351804	0.113181	0.0254125	0.10569	0.078624
SEC14L3	0	0.0169689	0	0	0
LOC100507462	0.0585646	0.124284	0.0750768	0.140372	0.0820004
THAP2	0.457855	0.326367	0.709214	0.748825	0.456997
EHD1	22.273	27.0606	24.9739	33.471	30.938
LOC100996291	0.01106	0.0148585	0	0	0.0136516
ZNF587	1.12238	1.27243	1.45731	1.63774	1.50402
FSD1L	0.801787	1.08721	0.89543	1.15241	1.11196
PLEKHG4	4.09979	5.02764	3.78178	6.75556	4.49753
AHNAK2	1.39183	1.60008	1.02374	1.83524	1.68926
FGFR2	0.716439	0.892713	0.807169	1.04855	0.848763
DPY19L2P2	0.0273416	0.0296073	0.00857699	0.0343354	0.0369663
NPW	0.604207	0.331932	0.403009	0.863879	0.102063
FGF2	0.00629155	0.00964135	0.00409487	0.0105803	0.00923393
CARD6	0.577281	1.10994	0.95542	1.00713	1.19459
YARS	48.5659	37.4234	81.8381	88.4512	40.5511
HOTTIP	0.0625769	0.0496975	0.0987303	0.10485	0.0687719
DIS3L	2.81394	2.65247	4.39438	4.55541	3.41008
TDRD5	0.457217	0.334422	0.371231	0.663347	0.44717
SMN2	3.53247	3.26909	4.37582	4.57276	4.4349
MORC2-AS1	0.672028	0.918867	0.670905	0.738446	1.37842
N4BP2L2-IT2	0.259684	0.344602	0.283982	0.284524	0.486861
ARL6IP5	14.0036	17.6931	12.5586	16.5519	22.8156
SIGLEC9	0.132936	0.084344	0.0456415	0.0631383	0.16358
MYLK	0.0088196	0.0130629	0.0224279	0	0.0248244
PNPLA1	0.0110953	0	0	0	0.0141992
LHFPL5	0.0390947	0	0.0966021	0.0649473	0.0850715
PDCD1	0.164857	0.0540168	0.172931	0.207476	0.221019
EIF3C,EIF3CL	0.842246	1.11669	1.3377	1.57423	1.15957
LOC100287314	4.19414	3.22025	6.7164	7.00541	4.15021
TNNC2	0.18223	0.315374	0.0713351	0.200012	0.215885
NUP133	7.95333	7.59329	7.84622	10.17	9.59357
LPP-AS2	0.224078	0.321343	0.339638	0.390646	0.240441
LINC00570	0.0201646	0	0	0	0.0258436
ZNF808	0.314819	0.513453	0.404371	0.41357	0.705985
SFXN2	5.95991	4.42455	7.16555	8.43852	4.86114
LOC652276	2.97934	2.08197	4.1547	4.48119	2.59586
ZNF704	0.331863	0.271656	0.302013	0.404208	0.372838
HS3ST2	0.0188183	0	0	0	0.0241349
ACTR6	9.74889	9.35446	10.8009	12.2425	13.0554
SLC46A3	2.22101	2.16945	3.75423	3.67204	2.27711
LRRC37A6P	0.00713734	0.00498687	0.00440302	0.0118178	0.00931104
TMED6	0.469859	0.579835	1.12053	1.11411	0.468171
RUVBL1	35.7838	34.4344	50.0091	54.0013	41.5943
MGC16142	1.17733	0.75569	0.979484	1.39745	1.00316
FAM173B	1.11403	1.1055	1.48856	1.67622	1.17513
SRL	0.00659432	0.00917514	0	0	0.00855423
DCHS1	0.0451802	0.0302342	0.0272294	0.0270705	0.070577
AP4B1-AS1	0.113398	0	0.0531952	0.0235705	0.114311
SAMHD1	0.924168	0.867595	1.18304	1.40598	1.0255
ASRGL1	0.785644	0.85962	1.16689	1.35183	0.953264
RSG1	1.5049	1.47696	1.69153	2.48325	1.4685
SCG5	0.248408	0.133565	0.304843	0.473061	0.203963
OSTM1	2.66511	2.1375	3.64639	3.98932	2.32962
ACOT6	0.0280746	0.0404711	0	0	0.0377497
MKNK1-AS1	0.0116001	0	0	0	0.0149189
MAEA	21.1467	21.4249	24.4736	30.6775	25.4111
PRSS22	9.02703	6.76388	10.3073	12.3381	8.83782
ZNF778	0.193598	0.509969	0.223954	0.382201	0.487148
LNP1	0.976531	1.67457	1.87191	1.84296	1.82689
GABRB3	0.537909	0.559589	0.782815	0.716639	0.682449
ASB3,GPR75,GPR75-ASB3	3.07419	2.96285	3.78168	4.08944	3.72961
C11orf65	0.582853	0.276829	0.428975	0.531881	0.432922
OAS1	0	0	0.0399442	0	0.0514522
INSM1	0.0996895	0.226454	0.12422	0.100758	0.478865
NUAK2	0.135677	0.297742	0.215214	0.2773	0.353536
LY6G5B	2.74799	4.10598	2.3781	2.90312	4.74591
BEND3	0.898592	1.06196	1.47616	1.57333	1.19056
TERC	2.0643	2.30673	2.26131	0.859222	7.08807
FLJ42875	5.06025	4.23627	6.48506	7.27164	4.39293
USH1G	0.406222	0.716898	0.366629	0.50897	0.875758
REL	0.144688	0.171785	0.138739	0.184115	0.173627
BVES	0.00395115	0.00582928	0	0	0.00551322
ZDHC14	1.16839	0.542951	2.04379	1.84498	1.19621
CSF1R	0.00765264	0.0102966	0.00925687	0.0254993	0.00940602
FAM186B	0.125595	0.0717698	0.119147	0.192707	0.0881555
CEP164	1.84161	2.46749	1.9934	2.95247	2.30002
SNORA33	10.4539	14.2232	4.20755	5.65674	0
LOC100505648	0.303913	0.190547	0.404205	0.457652	0.215203

LOC643406	0.119783	0.100892	0.111551	0.0998776	0.210795
PDSS1	5.59154	5.00809	6.94371	8.6728	5.91521
ZNF252P-AS1	0.0603646	0.0874675	0.183982	0.115223	0.142084
ALOX12B	2.29454	2.75632	2.96221	3.97467	2.87457
EPB41L4B	5.15258	4.9561	4.75981	6.75253	6.29351
SLC26A2	1.03428	1.07128	1.39607	1.48273	1.29089
ZKSCAN3	0.877379	0.873591	0.865666	1.2051	0.831748
PRKAR2A	0.829486	0.924437	0.921532	1.01954	1.12947
CCDC141	0.00231311	0.00337822	0	0	0.00319945
TSK3	1.31961	1.60926	0.634783	1.32355	1.79327
GTF2H3	6.8202	6.51566	8.5832	10.1643	7.66485
LOC646719	1.05118	2.17549	2.28641	2.42125	2.51324
TPTE2	0.011638	0.0170018	0	0.036778	0
LOC100499405	0.010488	0.0151413	0	0	0.0143277
SLC25A18	0.093231	0.0215198	0.113781	0.0775765	0.0797544
ASUN	9.60143	7.10689	8.41789	11.0724	9.53743
ZNF568	0.0758611	0.0525068	0.0725743	0.0854991	0.108688
MYLK2	0.303015	0.177769	0.364179	0.297815	0.205089
TEKT3	0.185667	0.0978257	0.191836	0.188735	0.199706
CYP27B1	1.60078	2.08745	1.59485	2.24567	2.71726
LOC100129961	0.281921	0.233441	0.204969	0.466368	0.197624
C5AR2	0	0.047385	0	0	0
RGPDB	0.111499	0.0626295	0.0834972	0.109651	0.130656
ACER2	0.0448205	0.168849	0.0112482	0.104972	0.121065
SARM1	0.497733	0.585596	0.716102	0.845872	0.685522
ACY3	0.0679753	0.180674	0.0404366	0.113329	0.0831438
CIRBP-AS1	0.36231	1.32785	0.905392	1.00579	1.07745
KIAA0753	1.96492	1.70236	1.96572	2.57347	2.1364
PSEN2	4.59014	4.67817	7.04923	6.87052	5.81127
TVP23B	7.88739	7.5255	7.51851	9.33064	9.89494
C1QTNF8	0	0.0178739	0	0.0230179	0
ANKFN1	0.0576454	0.0539541	0.0828422	0.0951636	0.0880689
C2orf81	3.69465	3.47568	4.30115	4.92019	5.11195
CCDC102B	0.0415978	0.020018	0.0610879	0.0228567	0.0867404
LOC100506123	2.63426	1.74066	1.59378	3.40575	2.7379
FAM83G	9.72242	11.2554	7.22119	11.6423	12.5649
PTER	4.44949	3.72339	6.33171	7.5839	4.12923
TES	0	0.0129612	0.0225594	0	0
LOC100506599	0.40831	0.69333	0.703649	0.789433	0.674418
DGKI	1.75649	1.51438	1.94611	2.54698	1.90147
SLC35G1	1.51394	2.55507	1.69277	2.23209	3.10537
NEK11	0.533593	0.58416	0.425188	0.783147	0.601934
ZNF837	1.90392	2.44615	1.91324	2.98656	2.89375
RPS26P11	1.56327	0.983651	1.65296	1.88824	1.55047
NUDT16P1	2.64185	2.92106	3.44423	3.83328	3.81156
IL20RA	0.472375	0.854924	0.721349	1.01637	0.906678
ZNF577	0.20308	0.443417	0.219971	0.368033	0.335931
C16orf52	1.09447	0.688437	1.49296	1.62183	0.845256
REEP6	17.1847	27.7035	13.376	23.8968	28.9514
USP32P2	0.0960107	0.0567745	0.0918739	0.072381	0.167087
RCSD1	0.0085824	0	0	0	0.0111548
C2orf16	0.05595	0.0879591	0.0950714	0.0632373	0.110879
TRPC1	0.111709	0.153068	0.151609	0.186998	0.171021
C1RL	3.16272	3.62358	4.39708	4.7678	3.96633
TCEANC	0.226822	0.407879	0.238745	0.477475	0.400154
CASC2	0.0949735	0.246489	0.145432	0.229504	0.139622
CEBPB	52.171	37.9879	139.662	104.812	46.9875
ARHGAP11B	1.13779	0.737144	1.07772	1.44498	1.42193
DUSP1	108.53	34.0587	75.1114	119.044	38.55
FAM209B	0.407218	1.20385	0.563559	0.504321	1.33454
KBTBD7	0.19755	0.244727	0.157264	0.269745	0.252519
DEGS1	17.1786	25.4644	21.9605	25.9201	30.7262
NFIX	6.75189	6.65672	7.87741	10.3462	7.7503
KANSL1-AS1	0.821009	0.300677	0.632002	0.990058	0.37144
ALX4	0	0.00836771	0	0	0
RNF138P1	0.00787217	0.0594146	0.015212	0.0264049	0.0452917
LOC100507489	0.0310732	0.0149686	0.196116	0.0860441	0.0990636
LOC389791	0.333552	0.22014	0.470556	0.503946	0.349013
EFCAB7	0.846722	0.774835	0.684017	1.16777	0.92225
ZNF790	0.269473	0.531772	0.477645	0.654794	0.483867
STRC	0.104016	0.148677	0.0982271	0.192944	0.150988
ENTPD7	2.72613	1.857	3.1798	3.87641	2.44285
FAIM	4.85217	5.61219	7.49536	8.16922	6.14921
LOC646329	17.1271	23.5715	15.652	25.5032	23.2676
TMEM254-AS1	0.026545	0.0187659	0.0330573	0.0662128	0
TMEM27	0.264653	0.352346	0.357003	0.351181	0.311772
IFT43	26.2825	32.5347	28.0922	38.5849	35.2441
RNF5P1	0.0656412	0	0	0	0.0856237
LRCH3	1.32637	1.11593	1.67638	1.76354	1.44923

LOC283335	0.434593	0.349178	0.331697	0.463419	0.372324
COL11A2	0.296023	0.236698	0.21456	0.389339	0.251714
LOC284023	5.07258	5.21746	5.50753	7.08845	6.00363
SLC25A45	1.73324	1.08187	1.56213	2.09957	1.56161
ARHGAP5-AS1	1.79398	2.44043	1.91432	2.26676	2.92821
RABL5	6.15135	7.66855	7.67355	9.9951	8.14658
PODNL1	0.104743	0.172952	0.0940092	0.17442	0.126692
ADAP2	0.0505174	0.0966336	0	0.0837946	0.0901543
CLTCL1	1.34794	1.40583	1.36742	2.07048	1.79859
GPR182	0.0946538	0.064892	0	0.119184	0.0887011
RTBDN	0.701433	0.520176	0.388448	0.48209	0.856578
SRCRB4D	0.448528	0.599887	0.575792	0.58195	0.673861
NKX3-1	2.09833	4.35563	2.67677	3.66222	4.6882
ANKRD18DP	0.0474171	0.176932	0.0689199	0.123983	0.149943
PSMG3-AS1	0.221339	0.242367	0.388445	0.425092	0.22612
MYADML	0.0188032	0	0	0	0.0246019
ROR1	0.040776	0.0359559	0.0515917	0.0341422	0.0602645
CDC42EP5	15.4238	25.6255	17.9443	21.9227	32.0529
LINC00515	0.0809175	0.235059	0.101437	0	0.546579
FOXN3-AS1	1.3175	1.36691	2.15271	2.30587	1.39595
AQP1	0.095117	0.230203	0.101537	0.165287	0.286578
RAB36	2.37736	2.88161	2.44723	3.22686	3.7538
ZSCAN30	1.40834	1.18885	1.48586	2.15092	1.42921
CDNF	1.35112	1.37993	1.54183	1.77206	1.68879
ACSL6	0	0	0.0134105	0	0.004927
TSPYL4	1.95085	3.02537	2.87347	3.30127	3.43336
FCN3	0	0.0494527	0.0439775	0.121626	0
KIF26B	0.218791	0.162112	0.247053	0.316316	0.270794
CLDN6	0.132525	0.183023	0.065211	0.267363	0.135844
IL18R1	0.0776334	0.0699779	0.197125	0.139573	0.108031
HIST1H2BE	0	0.18703	0	0	0
CHRM3	0.117862	0.118982	0.0523689	0.106656	0.0826184
SCUBE3	0.0317944	0.00729485	0.0130446	0.0265692	0.0134776
ZNF655	15.4239	15.146	19.8499	23.9488	17.6959
IFI16	29.8618	29.0261	40.5793	48.9377	32.2911
TEX30	0.134695	0.170109	0.220757	0.224424	0.187338
STAMBPL1	4.38244	2.90237	4.64066	5.48041	3.87902
HIST1H2BF	0.870507	0.193648	0.520439	0.958211	0.358481
SUN3	19.8798	14.073	31.3773	30.907	22.1911
CTSO	0.123435	0.252735	0.266669	0.167927	0.48019
MYH15	0.178238	0.145234	0.125982	0.27831	0.140374
CTH	6.41339	5.11611	22.7553	18.9932	5.60193
SPAG8	0.0844142	0.0769997	0.0172171	0.0701093	0.0898283
CCDC30	0.029117	0.0494175	0.0436092	0.0669207	0.0312711
KLHL7-AS1	0.0268569	0.120478	0.0229721	0.0900431	0.100893
C6orf195	0.0580292	0.224185	0.0538528	0.193239	0.169866
LOC100126784	4.60041	2.63697	2.96349	5.38915	3.14169
BEST1	0.0105958	0.0132324	0.27746	0.167747	0.0266161
LOC731223	0.105811	0.288882	0.509269	0.176441	0.265455
ADAMTS14	0	0.00868119	0	0	0
GRIK5	0.684051	0.21664	0.482332	0.740605	0.501516
GOLGA8T	0.148568	0.21892	0.112784	0.182085	0.299972
MLLT10P1	0.117949	0.0861972	0.0740628	0.0969472	0.163048
LOC338758	0.0331129	0.0658358	0.0281923	0.111292	0.0157064
SPDYE2L	0.0746081	0	0.0359995	0.0741004	0.0186421
BIRC2	11.2585	11.5317	15.8811	16.8674	12.3701
OPN4	0	0.022163	0	0	0
MAPKAP1	72.2486	68.1797	64.8657	91.6139	82.1373
NOMO3	0	0.0260661	0.0231831	0.0104905	0.0321369
ZNF239	1.91478	1.431	3.05783	3.46626	1.63625
KIAA1456	0.0152927	0.00649142	0.0027887	0.00729113	0.00930006
ANTXR2	10.2103	10.077	11.1955	14.8655	11.2062
EFHC1	1.23006	1.05726	1.15516	1.96637	1.36073
TTC26	1.6406	1.82792	1.89376	2.46036	2.27084
ZNF91	0.964782	0.994306	0.665078	1.31191	1.23619
RPGR	1.37979	1.16763	1.25059	1.98932	1.554
FAM86DP	4.39653	4.09991	5.22451	6.03283	4.6381
TYW1B	0.859724	0.588945	1.12581	1.34593	0.85786
TRIB1	13.7788	19.5344	17.5472	22.7882	20.8861
CATSPER1	1.55513	1.9234	1.53334	2.20662	1.70277
GPR113	0.0305309	0.0198711	0.00941644	0.025538	0.0125276
TOMM20L	0.496361	1.2948	0.842857	1.44943	0.803543
SULT1A1	9.05326	8.50737	9.73859	14.6909	9.00431
GDF15	106.078	44.3155	261.645	247.79	43.6431
CCDC66	1.23354	1.02879	1.80245	2.23838	1.35427
FLJ38109	0.0472758	0.0387521	0.033812	0.0336999	0.063938
FAM228B	0.645458	1.14135	1.03658	1.11835	1.62568
NPAS1	2.0547	2.00509	2.33894	2.97497	2.43838
EIF3A	21.5448	19.5509	30.563	35.337	22.489

ADAMTS9	0.151012	0.111276	0.131973	0.19215	0.155676
PROB1	0.356511	0.323799	0.711925	0.592945	0.523275
ASIP	0	0.152456	0	0	0
FBLIM1	0.45217	0.451437	0.265294	0.507008	0.517815
LINC00470	0	0	0.015465	0.0203096	0
HSD3B7	23.5973	34.34	19.3331	34.5982	31.9443
KIAA1875	0.191109	0.126991	0.0718015	0.20929	0.21112
ME2	12.7831	14.2135	14.4022	17.3788	17.7054
SDSL	30.4881	29.3462	26.6362	45.5239	30.8711
LTC4S	0.929835	2.00246	0.725908	1.55675	2.21612
MXRA8	0.694605	0.337189	0.635981	1.27985	0.393505
MIR31HG	0.488547	0.369332	0.244732	0.305226	0.561276
ALDH8A1	0.107102	0.0757237	0.200951	0.198599	0.154904
TANK	5.58102	5.34517	7.1269	7.54877	7.48898
C14orf183	0	0.0398018	0.0354924	0.0482039	0
ATG10	1.42804	1.46514	1.55718	1.63021	2.07823
XXYL1	2.18591	2.07637	3.69844	4.07112	2.98575
FAM86B2	0.773273	0.820322	1.28012	1.09338	1.54921
ARHGAP9	0.0717834	0.0259721	0.130323	0.0902868	0.0180477
FBXO4	4.86382	5.3863	7.42123	8.08831	6.80323
LOC100506207	0.0803244	0.152184	0.0997791	0.0459328	0.203602
ERVK13-1	0.805811	0.842934	1.05112	1.4416	0.913275
LOC100271836	0.03689	0.0732998	0.0755699	0.0922098	0.0876851
APOC1P1	0.0534909	0.219416	0	0.0880429	0.0861887
SLC39A3	23.1678	19.5192	33.3348	42.8294	19.4391
TPP2	9.0937	6.71951	9.87303	12.7747	9.07164
LINC00174	1.00285	0.750006	1.2127	1.81848	0.853529
WFDC10B	0.214288	0.222448	0.131304	0.359292	0.136435
ZNF572	1.16348	1.3082	1.62932	2.01326	1.62555
LOC728752	0.722451	1.32933	1.04909	1.55182	1.28271
ABCF2	34.8196	39.0812	52.5715	62.6984	42.2414
MBLAC2	0.86188	1.38173	1.56285	1.7969	1.70412
CCDC81	0.0559219	0.103182	0.0345589	0.0400106	0.0973615
CEP41	1.04578	0.64099	1.54217	1.72342	0.879661
AQP3	0.196483	0.0686086	0.182054	0.193626	0.254151
THEM4	2.34166	3.26614	3.07847	3.93632	3.44681
COL18A1-AS1	0.0160523	0	0.013352	0	0.0391169
SSTR5	0	0.0270454	0	0	0
NXPH4	28.5817	31.8464	31.3931	43.1697	33.3828
HEY1	1.05916	2.02703	3.53745	2.9593	2.14279
RASA3	13.2992	14.4832	12.5331	18.7932	15.6481
PCDHB10	0.211785	0.464244	0.196027	0.416081	0.397411
ENPP2	0	0	0.0138054	0.0182726	0
VRK2	2.50494	2.35702	2.40466	3.37218	2.92029
GRK4	0.426602	0.307469	0.540116	0.55577	0.600271
ATP6V0A2	0.685777	0.936822	1.12242	1.49143	0.823658
FADS1	0.00557075	0	0.00692785	0.00924579	0.00735118
LEAP2	0.360683	0.462844	0.553263	0.797011	0.388057
ROM1	1.30499	2.14367	1.2899	1.83044	2.06895
STX19	0.0171346	0.0244068	0.0213021	0.0832502	0
RNF165	0.193891	0.387791	0.124034	0.257029	0.231438
POU2AF1	0.0106576	0	0.013215	0.0178664	0.0138431
C9orf117	0.337417	0.34401	0.295541	0.321405	0.33507
ELAVL3	0.00748636	0	0.00912881	0.0125119	0.00955874
C9orf43	0.248193	0.260562	0.49058	0.514084	0.243574
PRRG2	0.525598	0.821465	0.770325	0.878326	0.866788
AIM1	0.00308055	0.00439958	0.00771133	0.00512637	0.00412194
UNC79	0.00294025	0.00414939	0.00364557	0	0.00385728
SLC36A2	0.00803752	0	0.0100392	0.0134728	0.0105518
KIF21A	0.946619	0.686079	0.848697	1.17472	0.904396
HOMEZ	2.06805	1.77397	2.67549	3.23088	1.79172
LOC100130855	0.398823	0.402593	0.418543	0.732585	0.422331
OTC	0	0	0.0186643	0.0247714	0
SLC3A1	0.0100199	0	0	0	0.0133854
TMEM178A	0.327017	0.220835	0.219775	0.183825	0.722941
LOC100505918	0.00905503	0	0	0	0.0121056
ZNF724P	0.110874	0.386363	0.135789	0.183295	0.0739812
FNSJD1	4.1391	4.39072	5.48623	5.57624	6.33754
ANKRD34A	2.10572	1.13467	2.56546	3.19827	1.71977
RPGRIP1L	0.24434	0.237194	0.314619	0.350898	0.35814
PTAFR	0.0136572	0.028433	0.0421173	0.0342883	0.0175053
GTF2I	0.82639	0.788791	0.829505	1.1702	1.14354
KRTAP4-9	1.05855	0.795306	0.840378	1.01771	1.36211
LOC643770	0.0577721	0.281434	0.183913	0.0970083	0.183392
SLC25A30	0.486646	0.556702	0.44248	0.568035	0.604517
LAMA4	0.00299467	0	0	0	0.00401027
ITPR3	40.911	48.552	36.5614	62.515	48.9958
NRSN1	0	0	0.0125837	0.0167494	0
NAV3	7.39119	3.98094	6.51031	9.3428	5.10705

WDFY3-AS2	0.258174	0.218232	0.152425	0.378699	0.0830096
LRRC34	1.32216	1.04691	1.47049	1.68433	1.29567
HIST1H2BH	19.7934	12.0188	13.8015	27.8788	8.80909
DDO	0	0.0401262	0	0.0535267	0
LOC257396	1.0978	0.919375	1.55852	1.57061	1.18364
C7	0.00572514	0	0	0	0.00768301
SCN4B	0.0486753	0.0775332	0.0515926	0.0349486	0.116414
LOC100505912	0.119979	0.25444	0.11103	0.196408	0.239976
LOC653653	0.0471336	0.0344936	0.0890094	0.0778847	0.0662551
EID3	0.262584	0.0803879	0.256786	0.341579	0.22854
CRMP1	2.34086	1.92329	2.7848	4.4068	1.82218
C12orf69	0.0414525	0.0456023	0.0393239	0.103237	0.0287548
CCDC151	0.505985	0.626127	0.361872	0.831147	0.364943
AANAT	0.357681	0.203016	0.0609056	0.342166	0.312153
TSPAN11	0.00526437	0.0144186	0	0	0.0264803
VWA8-AS1	0.0211675	0.0459519	0.0267699	0.0878566	0
OASL	0.0178257	0	0.0214633	0.0293766	0
ARHGAP4	0.204226	0.298036	0.240968	0.271385	0.304572
SOCS3	14.6318	22.6543	13.139	21.797	22.3743
FAM102A	12.0079	13.8902	11.362	18.2543	14.4838
CCDC157	0.257597	0.477038	0.488376	0.592594	0.582835
CARNS1	0.0322292	0.113686	0.0258222	0.0900473	0.103218
VILL	0.262983	0.301199	0.171481	0.258195	0.377852
HOXB-AS5	1.3969	1.02628	1.90552	1.8582	2.15776
CASP4	112.843	102.263	152.542	175.192	112.801
TMPRSS7	0	0	0.0119295	0.0159713	0
SCN2A	0	0.0104985	0	0	0.00988711
TMIE	0.246168	0.130173	0.434934	0.353053	0.281418
LRGUK	0.177622	0.152972	0.088844	0.177547	0.22789
C10orf25	0.193266	0.403276	0.389097	0.358179	0.351512
SNX29P2	0.022804	0	0.027444	0	0.027855
IER3	28.7108	24.4667	63.0787	56.3125	24.9843
MAP1A	0.106282	0.126172	0.0820596	0.143444	0.144549
FLJ39639	0.0966734	0.156118	0.235953	0.187728	0.188922
WDR73	8.19858	8.45261	10.5158	13.5516	9.56114
LOC389634	1.51702	1.38555	0.627374	2.12104	1.15405
FAM86EP	0.418142	0.733261	0.717744	0.978859	0.67834
AP1S3	0.0236129	0.00881442	0.00756409	0.00989695	0.0334532
PRTFDC1	4.3941	4.38655	5.20038	6.72095	4.78182
ZNRD1-AS1	0.250409	0.420161	0.623834	0.613344	0.462362
TRHR	0.0178596	0	0	0	0.0241595
TMEM17	0.51354	0.382102	0.614469	0.859817	0.53172
ENO4	0.170902	0.0932481	0.153307	0.217759	0.0980941
SERPINB1	59.5431	57.4359	60.9323	85.779	67.2611
MRAS	1.14115	1.08231	1.79749	2.26802	1.1437
CCDC147	0.338055	0.261968	0.500156	0.583794	0.32037
SNORD97	5.61048	11.7527	0	18.2942	0
KLHL31	0.0314206	0.0176637	0.0403518	0.0461881	0.0391161
MAPK13	14.5813	13.9585	13.1586	21.5242	15.6465
DNALI1	0.0557142	0	0.0115836	0.0619728	0.0122363
LOC441242	0.0225903	0.0613757	0.082198	0.112529	0.11249
OPLAH	29.6741	41.8794	32.0787	51.7024	46.679
HBEGF	26.0564	14.2882	24.1653	32.3941	18.7698
CACNA1C	0	0	0.00254192	0.003433	0
TOB2P1	0.265751	0.693351	0.970851	0.867121	0.705368
KRTCAP3	0.865687	0.848009	0.689338	0.846682	1.23198
SNORA62	2.96688	10.1126	1.79232	12.1891	7.97416
OCLM	0.0555501	0.130094	0.108184	0	0.247392
TAF13	8.01333	8.98157	9.21568	11.3498	11.9694
CHAC2	2.56332	3.71386	4.51096	5.06771	4.0393
MYOZ3	0.0227199	0	0.0560902	0.050493	0.0295334
CCDC148	0.148187	0.0595417	0.0521211	0.146277	0.0472897
NPC1L1	0	0.00974529	0.0262368	0.0360979	0
VEPH1	0.64904	0.977022	1.39673	1.82594	0.889567
GFPT1	5.45666	4.9106	7.88273	9.50741	5.46503
GPX2	0.0492447	0.0357376	0.0395921	0	0.123709
ADAM1A	0.263549	0.307201	0.601759	0.388981	0.530411
PRRT2	0.120055	0.100873	0.0964915	0.107058	0.296967
PACRGL	2.22572	2.1899	2.81775	3.68683	2.41858
EN2	0.0422879	0	0	0	0.0576994
LIAS	6.90549	6.89821	8.52986	11.2468	7.32298
CBLN3	0.238503	0.108355	0.242736	0.221609	0.346424
HDHD2	5.41319	2.87686	4.86845	5.69462	5.88383
APC2	0.524336	0.595204	0.793831	0.727022	0.760344
C8G	0.177301	0.467411	0.139007	0.39148	0.574277
LOC100506713	1.17533	1.35737	1.53136	1.50605	2.42759
ANKLE1	0.449261	0.534684	0.380735	0.594721	0.789123
ASB13	11.2764	14.6056	14.046	18.0699	15.1071
CPSF4L	0	0	0.0638278	0.0866456	0

GCSHP3	1.77457	1.83622	2.18032	2.81155	2.45181
PRSS36	0.375662	0.563267	0.211878	0.467329	0.766708
C19orf71	0.469753	0.407708	0.277723	0.523073	0.647929
PRAF2	1.7922	2.53392	2.76685	4.45143	2.21807
ITIH4	0.293422	0.208799	0.341864	0.421059	0.397026
CHPF2	27.3109	36.9893	35.8165	60.1366	36.349
WDR31	0.210915	0.285481	0.416492	0.452311	0.419205
SETBP1	0.00482357	0.00342506	0	0.00803871	0.00320443
FAM53A	2.56885	2.50499	3.64354	3.88402	3.85278
ZNF713	0.140025	0.157918	0.162386	0.215861	0.163864
AKAP3	0.148561	0.216319	0.183595	0.32366	0.120855
MAK	0.0639151	0.0594884	0.0884751	0.0388401	0.136231
LOC100507053	0.0500893	0.0183803	0.0372776	0.0627638	0.0290667
RFPL4A	0.156011	0.172099	0.114918	0.0518207	0.279729
GPSM3,NOTCH4	0.276246	0.178788	0.162755	0.395244	0.255437
PTBP3	9.28854	7.96782	10.5194	12.8047	12.0124
TRAF3IP1	2.07946	1.66109	1.87236	2.9587	1.75314
C14orf142	3.986	3.64068	6.75303	7.43334	4.45269
PACSIN1	0.0797227	0.0318086	0	0.0663866	0.0581403
CCNYL1	2.07048	2.51098	3.05388	3.64187	3.14669
HIGD1B	0.150183	0.10258	0.090487	0.181159	0
LHB	0.908937	2.11838	1.23683	0.960076	1.52209
ZNF80	0.00786551	0	0	0	0.0107991
DYNC1H1	21.1113	18.6351	21.576	32.1396	20.8713
ZNF397	1.97038	1.09783	2.17951	1.53295	1.80082
C16orf95	3.94668	3.42906	2.8731	4.21852	3.22906
CDK2AP1	35.9252	56.9166	44.3556	57.3955	72.7546
RNF216-IT1	0	0	0.208198	0.284189	0
C7orf63	0.622005	0.697098	0.560421	0.9265	0.969077
C10orf95	1.08234	1.24552	1.54895	1.91888	1.47789
ST6GALNAC4	197.87	192.74	216.61	307.162	205.179
SNX29	0.446378	0.559607	0.381557	0.753311	0.489678
ARC	3.00997	6.24681	3.7646	5.54594	5.57524
METTL20	0.277257	0.37185	0.320981	0.401041	0.396263
SECTM1	6.42956	6.35071	6.19545	9.09647	7.65186
PKD2	1.46301	1.38776	1.91307	2.46288	1.76632
CPS1	0.519746	0.380519	0.57415	0.668638	0.440507
ZNF417	0.34699	0.434341	0.290646	0.478013	0.497611
LIF	24.272	13.3765	22.2921	34.047	17.365
LOC440461	0.104115	0.140066	0.083463	0.17402	0.215976
ZEB1	3.43169	2.88076	2.97253	4.6497	3.73567
ZNF785	1.42425	1.10587	1.34855	1.19182	1.47266
WFDC3	0.179977	0.0820884	0	0.0497764	0.152632
PRRT1	2.28093	2.52575	1.41115	3.12985	2.77748
DYRK3	9.80905	10.5796	10.7949	14.9795	11.6485
TMX3	4.03381	4.32296	5.01312	6.68908	5.6756
RABL2B	4.96204	6.45069	5.11362	8.16651	7.48126
SLAMF7	0.311806	0.100899	0.298352	0.344211	0.209338
STK31	0.0423122	0.0423573	0.0456022	0.0601432	0.0564997
ZFP82	0.0253034	0	0.0106019	0	0.0345083
CXorf31	0.160546	0.149594	0.131128	0.0876843	0.140176
PDE6B	0	0	0.0127625	0.017533	0
MPZL2	0.00814588	0	0.0208989	0.0136687	0.0116498
PKIB	0.0632974	0.0483781	0.0500305	0.052641	0.0774956
FHAD1	2.02326	1.67365	2.01913	3.01954	1.60665
EGFEM1P	0.00617093	0.00890177	0	0.0207223	0
ODF3L2	0.587444	0.527874	0.444129	0.626283	0.664038
WDR4	7.90381	6.52269	7.8955	12.3572	7.53326
NOXO1	0.348013	0.0501694	0.413052	0.324863	0.187358
SYT2	0.0249454	0.0131136	0.0154654	0.0312443	0.0204478
TPGS1	16.4008	12.0435	21.9433	25.5175	15.6739
C1orf229	0.284736	0.527185	0.43844	0.520753	0.618342
TMEM40	0.0521668	0.0475143	0.190665	0.172805	0.0441262
GPAT2	0.09328	0.0885071	0.0803625	0.155861	0.113171
AGA	1.781	2.35818	2.19435	3.33166	2.8419
CACNA1A	0	0	0.00515177	0.00709944	0
DAPP1	0.00753675	0	0	0	0.0104537
IL10RA	0.108071	0.15857	0.037741	0.128613	0.156524
SYNPO	0.278899	0.756193	0.302034	0.613362	0.802214
C9orf9	7.24094	7.13944	8.53872	10.1964	8.55948
LOC100527964	1.40382	1.04905	1.75933	2.56339	1.44037
AURKAPS1	0.412253	0.397458	0.715759	0.779779	0.548091
GGCT	29.8054	27.1738	34.8014	44.2277	36.0324
FAM65C	0	0	0.00951464	0.0131395	0
TCTN1	5.12765	6.37588	6.22683	7.76476	8.37174
SLFN5	0.598561	0.685572	1.54297	1.54964	0.73935
LOC100133612	0.0369121	0.050964	0.0903368	0	0.117622
KCNIP2	0.291147	0.129535	0.181854	0.314812	0.188628
ZNF221	0.0834124	0.047197	0.0828622	0.0412729	0.121946

GNAT1	0	0.0107509	0	0	0.0149663
C5orf4	0.026219	0.0122291	0.0108045	0.0145454	0.0226888
ITGB1BP2	0.420647	0.363304	0.400788	0.763425	0.567244
VMO1	0.518724	0.939392	1.13701	1.22413	1.08163
SIPA1L3	2.66834	3.02904	2.60663	3.97671	3.64689
RSPH4A	0.0616982	0.125789	0.165653	0.0641742	0.275104
SDCBP2-AS1	0.0891178	0.214338	0.331472	0.276724	0.249137
LRRC2	0.00421803	0	0.00532209	0	0.00574193
CYP4F11	0.0554385	0.103709	0.137058	0.138636	0.108736
SNORD95	0	0	1469.84	0	0
RABGAP1L	1.80466	2.12333	1.70674	2.27596	2.40308
NPR1	0	0	0.0101642	0.0140808	0
ARGFXP2	0.0212465	0	0.0259033	0	0.0277695
BNIP3	0.0967334	0.0470385	0.0204472	0.0807185	0.090154
GPR183	0.0132222	0	0	0	0.0184389
ADCY5	0.0237473	0.00810661	0.0433953	0.0198162	0.0223667
UPK3B	1.31514	0.857292	1.50524	1.36563	0.901356
ANKRD20A1,ANKRD20A3	0.0167362	0.00804822	0	0.00927917	0.0152795
FUT8-AS1	0.0876957	0.210764	0.109986	0.121482	0.421841
LOC100506123	1.27707	0.857248	0.65452	1.50686	1.34592
RMDN2	0.165013	0.259743	0.306026	0.320661	0.317685
MAPK15	5.12308	5.58702	2.25294	6.64972	8.14698
C16orf46	0.350672	0.243987	0.378254	0.521212	0.394187
COX10-AS1	1.0388	0.864022	1.22419	1.40473	1.20561
MCM7	102.595	104.176	124.392	166.459	136.127
NANOG	0.0133013	0	0.0164816	0	0.0178229
C14orf79	3.32472	6.58249	4.86504	6.73988	7.30287
ACSL5	0.0199627	0.019619	0.0343436	0.0569745	0.00919477
LOC100505812	1.25634	2.08248	1.34675	2.14151	2.17807
TRIM69	0.13649	0.119462	0.167495	0.0279997	0.11062
ST3GAL6	0.00671711	0	0	0	0.00938717
PAR5	0	0	0.00756651	0	0
SH2D2A	2.88387	3.58632	3.48788	4.37818	4.34265
LOC158572	0.0247502	0.0171422	0.0303711	0.0410621	0.0159266
TTC3P1	0.114996	0.175033	0.0765449	0.190264	0.165239
PFDN1	83.0786	72.6708	75.5827	116.923	89.496
SPA17	4.51468	6.90568	4.91343	7.42127	7.56535
BBS1	2.94966	3.28345	3.03624	4.72193	4.29628
TMEM143	3.04481	3.11011	2.5178	4.5894	3.88316
LOC728084	0.00850825	0	0	0	0.0119177
AIFM3	0.753185	0.848864	0.552483	1.40236	0.737521
PSG9	0.0139493	0.0196768	0.0172614	0.0462604	0
SLC7A11	0.331302	0.217655	0.325738	2.28282	0.254871
F13B	0.00832011	0	0.0105627	0	0.0115205
SNAI3-AS1	0.668356	1.07334	1.28775	1.37304	1.07483
ACTR3C	0.409608	0.633234	0.533006	0.85937	0.624206
ATAD3B	33.2234	34.5335	37.7989	57.4165	36.7709
LOC152225	7.42381	5.23157	9.04092	11.6897	5.83407
NAT2	0.0177891	0	0.0225662	0	0.0245155
STAG3L3	0.298899	0.434585	0.249932	0.524627	0.381699
PCDHB12	0.0160605	0.150377	0.0705299	0.0402208	0.120511
C1orf54	0.570571	0.242285	0.141166	0.377055	0.453854
BTLA	0	0	0.00770925	0	0
IQCE	0.766952	0.918836	0.873808	1.39667	0.97602
LOC150197	0.236939	0.215026	0.21206	0.318749	0.276159
ZNF425	0.323056	0.683323	0.54385	0.64543	0.595457
FAM86JP	0.414423	0.986768	1.18905	0.970649	1.53294
LOC100288846	0.37619	0.250973	0.437891	0.418012	0.270916
PATL2	0.133544	0.243346	0.198415	0.319857	0.224843
SCARNA14	0	47.1635	0	9.15962	52.0754
FGF21	0	0	0.0576968	0.0806872	0
GZMM	0.333546	0.218886	0.198789	0.467818	0.200365
ERAS	0	0	0.0606905	0.0848987	0
DCDC2	0.719896	0.643959	0.538414	0.735759	1.05405
ZNF90	0	0	0.00655695	0	0
KIF5A	0	0	0.0166962	0.0113846	0
SNORD15A	5.62212	5.75655	0	4.58377	3.83821
BRWD1-IT2	0.322249	0.559135	0.592911	0.872961	0.414967
LOC100130987	0.605288	0.96696	0.798266	1.30839	0.97153
LOC400927	0.88752	0.948646	1.06211	1.60728	1.43391
DHRS2	0.127135	0.0740067	0.131773	0.210517	0.163036
PLCH2	0.0597074	0.0443678	0.101223	0.1139	0.130979
LAMB3	76.6501	55.0842	74.9254	119.029	63.9994
EMP1	26.7348	43.0468	40.8525	48.2831	51.554
CYP4V2	0.627826	0.703934	1.18995	1.49798	0.66664
LINC00485	0	0	0.00787661	0	0
SEC61B	195.426	230.248	232.288	301.127	284.233
HYDIN	0.0506047	0.0933464	0.0761227	0.115568	0.112844
ARMC9	2.21644	2.08649	2.53144	3.88539	2.46492

FAM126A	0.0300373	0.0252577	0.0129051	0.0502852	0.00965751
IFT88	0.854176	0.820666	0.865169	1.12161	1.16916
PCDHB4	0.0302307	0.0446071	0.0288137	0.0635185	0.0421354
KIAA1755	1.06334	1.67744	1.54175	1.62686	2.30406
CARS	16.1537	12.2547	42.2376	43.0495	13.7589
LOC653712	0.0273686	0.188776	0.167292	0.0909326	0.210081
BMS1P6	0	0	0.00586757	0	0
GPR68	0.244113	0.198666	0.375315	0.520065	0.231669
ARHGEF37	0.362297	0.417364	0.36519	0.528017	0.578015
TGFBR3L	1.08182	0.345927	0.632534	1.6654	0.631847
CGB8	0.456455	1.13567	0.27202	0.952991	0.69904
SMIM16	0	0	0.0439	0	0
NLRP11	0.182062	0.284474	0.330042	0.32242	0.368222
UBE2E1	48.6374	43.4436	57.4019	66.6872	66.3445
CLYBL	0.367689	0.456346	0.515591	0.623763	0.575507
MARS	19.3634	15.8849	44.9668	49.5922	16.6236
PNMA2	0.0350526	0.028653	0	0.0166795	0.0202425
FRMD4B	0	0	0.00540969	0	0
C1orf180	0	0	0.0103129	0	0
PSAT1	26.3934	26.0374	104.286	91.6466	33.9729
ARHGEF19	9.62893	9.20556	8.89987	15.0894	8.88426
TBX2	0.0297063	0.0197514	0.143342	0.149338	0.0727436
ZNF132	0.0952844	0.111574	0.275522	0.238212	0.206827
SNORA38B	3.40564	0	0	0	4.85688
IDNK	1.43346	3.19877	2.72082	4.43133	1.97305
EGR2	0.082869	0.132686	0.19806	0.277532	0.159735
VAMP5	0	0	0.144621	0.100039	0
ESR2	0.0175003	0.110456	0.0241852	0.120234	0.0682536
FBLL1	0.237899	0.0768441	0.419142	0.395727	0.139995
ITGAX	1.23392	1.11564	0.686215	1.03417	1.96234
FCAR	0.0184402	0	0	0	0.0263221
SPTY2D1-AS1	0.016684	0.0242614	0.0631457	0.0278038	0.0906507
NR4A2	0.308455	0.465173	0.256444	0.554799	0.455167
IAPP	0.0116497	0	0	0	0.0166405
LOC100294362	0.130149	0.13111	0.0531516	0.173991	0.121204
PCDHB5	0.0228196	0.0316316	0	0.019051	0.0587101
ATP5EP2	1.08782	1.32426	0.484418	1.11956	1.58122
HIST2H2AC	5.26852	2.47322	6.55538	10.4481	3.96421
CILP2	0.0252841	0.0165734	0.104687	0.0847379	0.0152126
ARHGAP30	0.0428407	0.0654737	0.044516	0.060643	0.0609
LOC284751	0.300109	0.11891	0.536696	0.620597	0.313541
UCA1	12.6359	7.5992	7.57839	15.2406	6.13749
TNFSF4	0.0299666	0.0712997	0.00767158	0.0401166	0.0507134
H3F3C	0	0	0.0358661	0	0
AKNAD1	0.0698131	0.0293279	0	0.0237316	0.067193
STK33	0	0.0318141	0	0.0122946	0.0200998
EPGN	0.026662	0	0.0226871	0.029688	0.024905
IGFL2	0	0	0.0750059	0	0
MFAP4	0.0361942	0.0247178	0.0661796	0.09072	0.0912878
PNLDC1	0	0	0.0528487	0	0
PROSER2-AS1	0.0083017	0.0115936	0	0.0137987	0
TMEM9B-AS1	0.262462	0.404002	0.217472	0.591285	0.261243
C6orf163	0.19258	0.195596	0.12954	0.371917	0.185431
PSD3	0.00212476	0	0.0108338	0.00709608	0
CYP17A1	0	0	0.0366244	0	0
PCK2	44.2149	42.4184	76.7932	99.8922	47.6775
HNF4G	0.4782	0.326622	0.491052	0.751296	0.263925
ATP2C2	0.0947669	0.0512202	0.0459007	0.126178	0.0831312
ARL4D	0	0	0.0257784	0	0
PPP4R1L	0.15847	0.0631143	0.12531	0.169304	0.0883344
CCRL2	1.18722	1.47995	2.29601	2.94596	1.98282
TMEM229B	0.406501	0.275804	0.311311	0.42455	0.527169
ZBED3-AS1	0.106391	0.147551	0.183986	0.246483	0.0818743
KIF9	0.854513	0.828266	0.908585	1.11922	1.24221
LOC339166	0	0	0.0225496	0	0
NAPRT1	46.7949	56.1754	44.6582	78.5231	55.7523
FLJ42289	0	0.0253705	0.0417828	0.0354128	0.0235331
FKRP	1.74596	2.21722	2.74414	3.26546	2.78273
ST8SIA4	0.00330537	0	0	0	0.00477441
YJEFN3	6.54277	3.23462	4.19416	12.6419	3.17033
CTXN1	25.5421	25.2687	31.5651	40.8814	36.5242
APBA2	0	0	0.011223	0	0
HTATSF1P2	1.78668	1.45044	2.31156	3.18677	1.6565
FMO5	0.157431	0.0429152	0.137409	0.202814	0.121932
C19orf80	0.0455289	0.0588028	0.0537738	0.14956	0
C1orf116	0.00460926	0	0.0114349	0.0230714	0
SULF2	0	0	0.00914342	0	0
FLJ30679	0.0294156	0.184596	0.0729402	0.0734735	0.211076
LOC100272216	0.201423	0.0835928	0.0186843	0.129084	0.174784

ABCA4	0.0109309	0.0100493	0.00892839	0.018211	0.0185631
C9orf172	0.525388	0.603969	0.694869	0.746162	0.870034
AACSP1	0.713253	0.787191	0.752039	1.33755	0.907029
DENND1C	0.237637	0.335267	0.111306	0.153839	0.489081
MREG	4.36384	4.09084	5.76511	7.19611	5.13374
RCHY1	3.61065	3.78028	4.28802	5.08611	6.18329
RSPH10B	0.0153373	0	0.0282816	0.0126714	0.0100555
ISPD	0.0823774	0.0378861	0.0784524	0.0857551	0.0636901
XK	0.222755	0.413983	0.417149	0.373835	0.733943
EGR1	7.25456	7.43395	18.8904	18.5993	9.23934
ZCWPPW1	1.44164	1.30488	0.98187	2.2612	1.44869
EBLN2	0.0669003	0.116776	0.0338775	0.0669041	0.128825
SRPK3	0.0434709	0.0283951	0.0258247	0	0.10441
LOC541473	0.653796	0.389159	0.835794	1.4246	0.361346
ORM1	0	0	0.0469176	0	0
RORC	0	0	0.0122821	0	0
PBLD	0.33838	0.336794	0.500322	0.702214	0.272617
RNF167	58.0923	62.3074	49.4929	79.8507	87.1534
CCDC116	0.0509157	0.0666069	0.0811413	0.0281767	0.142522
GLT25D2	0.362562	0.418001	0.627462	0.803979	0.424087
HBA1	0.425517	0.415299	0.126104	0.707371	0.512624
SPATC1L	0.102765	0	0	0	0.0608548
CTAGE7P	0.0399454	0.0457898	0.0703444	0.0794615	0.0758634
DDX11L2	0.461061	0.502956	0.422738	0.730017	0.677556
RABL2A	0.899195	1.76268	1.04151	1.98269	1.66442
ARHGEF4	0	0	0.0118929	0	0
NBPF11,NBPF24	0.0139949	0	0.0289227	0.0231597	0.00606762
HDC	0	0.0143765	0.0255896	0	0.039777
RASIP1	0.307045	0.200167	0.227196	0.449873	0.251062
LGALS8-AS1	0.511102	0.472998	0.421907	0.852607	0.241902
LOC100130452	0	0	0.0977284	0	0
LOC100506343	0	0.038116	0.0335774	0	0.080394
SPON1	0	0.0616121	0	0	0.0385209
BBS12	0.747625	0.771753	0.712164	1.02151	1.09149
SH3BP5L	70.7773	40.1453	96.622	121.693	61.3238
LINC00520	0.174494	0.2658	0.0581379	0.212782	0.290455
C16orf45	0.0821671	0.0376721	0.117888	0.114405	0.0867484
S1PR4	0	0	0.0463176	0	0
LOC100132356	0.143366	0.174222	0.149453	0.240578	0.0980611
LOC100131089	2.6993	2.99177	3.53042	2.92584	4.36568
KRT19	0	0	0.0379313	0	0
KRCC1	2.02182	1.84061	3.51261	3.79663	2.02353
DMBT1	0.0227121	0.0560127	0.0333129	0.0304195	0.0853228
LRFN1	0.0220728	0.0287842	0	0.0739867	0
NAGPA-AS1	0.0491166	0	0.0302653	0.0410131	0.0312679
CHN1	0.0784645	0.0332916	0.0433145	0.0817524	0.0626672
CASP1	0.144896	0	0.103615	0.068615	0.108611
NKPD1	0.0354561	0.0117982	0.0320057	0.0892173	0.0107884
FAM149B1	1.34943	1.23355	1.70215	2.19959	1.65956
SLC28A2	0.0319218	0.0301247	0.0265414	0.0355935	0.0559794
GOS2	170.778	144.332	278.344	332.005	190.115
ZNF235	0.266313	0.251744	0.349566	0.460782	0.484198
ZNF672	141.601	61.8089	149.663	217.484	106.401
NLRP1	0.279751	0.487466	0.241462	0.676912	0.478122
GRID2IP	0.0190211	0	0	0	0.0113696
AK8	0.708481	1.1213	0.531665	1.22937	1.34535
TRIM66	0.5377	0.404489	0.579995	1.01996	0.471662
GAL3ST4	0.252157	0.289057	0.291875	0.423104	0.422373
C5orf60	0.0576008	0	0	0.0476895	0.0365462
CD79B	0.0732399	0	0.0439453	0	0.0440341
HSD17B3	0.330124	0.39132	0.156828	0.378713	0.596026
IRX6	0.0365332	0	0	0	0.0219721
LOC100505679	0.238579	0.553586	0.0968589	0.658839	0.505728
GDPGP1	0.668262	0.690928	0.681643	1.02637	0.937226
MST1L	0.276856	0.343202	0.232525	0.357733	0.566148
MORN1	0.549573	0.9506	0.770061	1.24444	0.936298
TP53TG5	0.352294	0.774595	0.427511	0.529069	0.923973
CCT6B	0.937218	1.44414	1.31009	1.86571	1.50104
AEBP1	0.00861162	0.0111898	0	0.0142883	0
PARP12	6.01462	7.23425	7.03191	10.4923	9.14386
EGR3	0.664603	0.810304	1.48351	1.56519	1.10024
TTC30B	0.149308	0.177762	0.121838	0.205025	0.189896
ATP6V1B1	0.0387218	0	0	0	0.023568
TSGA10	0.0716158	0.0870506	0.138593	0.118305	0.203293
LOC619207	0.292459	0.108374	0.0979424	0.408334	0.227732
SLC25A2	0.019606	0.0835757	0	0.0653164	0.0523258
DLL3	0.0281734	0	0.0429285	0.0610127	0.0439727
SNORA27	15.8053	29.0155	12.7568	25.5015	30.8895
SENP8	1.18772	0.947164	1.31132	1.83332	1.38461

C17orf98	0.355119	0.383513	0.169918	0.585063	0.265564
ZNF665	0.0128813	0.0185124	0.0161814	0.0214335	0.0260056
LCT	0.0128422	0.0118123	0.0313762	0.0568947	0.0109398
GSTT2	0.803962	0.906132	0.687742	1.17199	1.21051
MAP6	0	0.0185868	0.00848962	0.0229621	0.0171935
FOSB	2.66435	3.13885	3.42849	5.88279	3.03407
CPEB1	0.0269029	0	0.0224456	0.0451028	0.0120293
PDZK1	0.0351855	0.0998406	0.043891	0.13569	0.109209
SH2D5	0.573177	0.478503	0.394397	1.02114	0.502518
HFE	1.39357	1.44875	0.820328	1.4823	2.01465
DNAAF1	0	0	0.0398282	0.0180973	0.0411813
ST6GAL1	3.38413	3.60211	3.5761	5.03774	5.02601
SLC22A1	0.131427	0.0538795	0.0481215	0.198789	0.109788
SNORD22	35.5521	58.5992	18.9368	37.4145	45.0424
C16orf71	0.0688949	0.0540177	0.164614	0.274775	0.0329355
FAM129C	0.133208	0.096458	0.0971049	0.143572	0.129549
FAM90A25P	0.366293	1.094	0.552412	0.89074	1.04036
SNORD17	2.04074	3.43018	1.46492	0.663415	6.11043
SERPIN8	2.99626	4.17373	7.30635	7.59839	5.13543
NME9	0.145047	0.142432	0.0974454	0.223051	0.192088
LCN15	0.374174	0.355664	0.446324	0.533994	0.852322
ASAH2	0.0660836	0.0401979	0.011713	0.0469955	0.0624026
RAB9A	8.19052	7.83175	8.57843	10.9833	12.9711
TMEM140	0.336384	0.484886	0.53776	0.803748	0.503374
MRPL42P5	0.949515	0.11503	0.547496	0.984464	0.648972
LNX1	0.0789232	0.0874042	0.0877731	0.131791	0.09293
FAM66C	0	0.0332801	0.0481168	0.0255231	0.0416289
FLJ35390	0.482108	0.612008	1.19355	1.16193	1.38478
TTC12	4.48933	5.37634	5.67513	8.102	6.8227
MT1G	0.771941	0.822621	0	1.2719	0.583372
C1orf101	0.0132802	0	0.00891097	0.010931	0.00981508
CELLF6	0.766117	0.684061	0.645246	1.31556	0.624252
C20orf203	0.00590422	0	0.0072944	0.0197404	0
ADAM20P1	0.135603	0.0624829	0.0813819	0.119619	0.146533
TAS2R5	0.414805	0.396118	0.2745	0.691514	0.294953
TMC4	0.545913	0.781334	0.381657	0.706584	1.00214
TREX2	0.278801	0.243559	0.386938	0.469394	0.335043
RAB37	0.116488	0.0645047	0.114458	0.155302	0.165335
PLA2G4C	0.136854	0.123344	0.0827934	0.189094	0.186773
HLA-DRB6	0	0.0987568	0.0583989	0	0.152619
SLC16A6	0.372752	0.373978	0.398048	0.675927	0.464656
RBM26-AS1	0.170477	0.165832	0.1855	0.243788	0.224017
STS	0.124441	0.217632	0.188892	0.285317	0.228555
ARMCX4	0.322122	0.292571	0.239416	0.577734	0.385382
SLC6A4	0.0366927	0.0533749	0.0462966	0.0798091	0.0602588
SSPO	0.0110829	0.0181201	0.0266141	0.0422211	0.0130958
WDR66	0.0875786	0.194031	0.103695	0.217728	0.154193
LEKR1	0.104845	0.117767	0.103702	0.279528	0.0385334
SDC3	2.814	3.55503	3.47026	5.60711	3.97335
TMEM134	26.4397	32.053	24.4575	34.6348	50.1057
KLHDC7B	0	0.0202491	0.163676	0.126491	0.0186881
EXOC3L2	0	0	0.0665477	0	0.101043
UBAC2-AS1	0.169346	0.228926	0.277169	0.307558	0.259857
TEX2	1.76193	1.98473	2.16446	2.8295	3.02255
DNAH6	0.0300766	0.0136945	0.0219342	0.0341996	0.0257931
FAM86B3P	1.41721	2.84127	1.66667	3.41897	3.15313
RAB40AL	0.0692785	0	0.0833464	0.230642	0
SCFD2	1.1124	0.947512	0.775422	1.55296	0.99668
LOC399815	0.299257	0.204202	0.468023	0.468022	0.292557
CCDC144B	0.00216469	0	0.00275253	0.00358961	0
PPP1R36	0.0356386	0.0250749	0	0.0294284	0
HOXA6	0.224447	0.297377	0.177509	0.124353	0.553636
SLFNL1-AS1	0.125683	0.105808	0.162624	0.257096	0.19492
SLC22A20	0.132454	0.079571	0.0535024	0.107478	0.220067
LOC286059	0.0176167	0.0386668	0.0556884	0.0587538	0.0486941
LOC440896	0.110128	0.0858782	0.138295	0.226573	0.115412
SNORD8	0	0	18.1024	0	0
OPN3	0.139183	0.130822	0.200369	0.232088	0.21815
KLF7	0.0147864	0.0130323	0.0224576	0.0296218	0.0205579
ANKRD26P1	0.00342495	0	0.00429614	0.00566522	0
PRDM7	0.00944431	0	0.0278869	0.031286	0.0124301
SEC1P	0.0538913	0.0544047	0	0	0.166149
LOC256880	0.0939253	0.136249	0.0677215	0.134809	0.128639
BTBD18	0	0.0103133	0.0184605	0.0248177	0.0191784
FAM22D	0.0944725	0.123633	0.116648	0.140912	0.147693
SNORA16A	0	9.66004	0	0	14.8388
BRWD1	1.36298	1.68012	1.02429	1.86208	2.3236
STARD8	0.0514702	0.00876868	0.0393627	0.0215793	0.040313
CLHC1	0.373278	0.23993	0.336769	0.581128	0.357949

MMACHC	2.6298	2.665	2.74116	4.13606	3.70454
INHBE	0.27184	0.306488	1.02423	1.00074	0.374257
MIR4461	5106.16	4500.31	1637.87	4369.05	5726.52
KCNH8	0.017778	0.0382521	0.0723583	0.0663559	0.036061
HRASLS2	0.140149	0.0631697	0	0.230915	0
CCDC40	0.312533	0.309308	0.354673	0.538586	0.588108
SAMD13	0.0679755	0.1785	0.0871346	0.113808	0.217219
DQX1	0	0.0141996	0.0634039	0.0518343	0.0131475
SELPLG	0.215204	0.0968605	0.101305	0.159296	0.0590051
SNORA21	20.1557	21.7673	24.3465	19.6422	38.9379
MIR100HG	0.0128954	0	0	0.0107595	0.00920523
WNT8B	0.0557702	0.0255035	0	0.0928461	0
SP7	0.0203499	0.0142057	0	0.0170616	0
CCDC176	0.264324	0.45187	0.315212	0.512117	0.593627
ATP8B4	0.0339102	0.0165128	0.0476951	0.0941667	0.0104531
CDYL2	0.128868	0.0775686	0.191594	0.190603	0.125011
ACTN3	0	0.046016	0.0140046	0.0586249	0.0140626
LSP1	0.0242461	0	0.0290277	0.0401347	0
GRAMD1B	0.110658	0.0599586	0.0401494	0.18286	0.02774
ZFP3	0.0310325	0.0129288	0.0112208	0.00739278	0.0304639
BMP8A	0.14469	0.16774	0.206374	0.291068	0.330542
SEC24B-AS1	0.400265	0.489375	0.419456	0.779247	0.776002
CCDC113	1.04945	1.20899	1.13537	1.90115	1.40921
CORO2B	1.76097	2.05915	1.81279	3.49978	2.7883
AKNA	2.09514	1.53349	5.88339	7.05593	1.55251
FLJ44313	0.329843	0.450551	0.372748	0.718481	0.507272
NDUFA4L2	1.08436	1.17658	2.23853	3.30198	0.982248
LOC100505676	0.00477229	0.0141292	0.012214	0.0159367	0.0067132
RHCE	0.273466	0.285729	0.253769	0.374283	0.428162
OR7E37P	0.100958	0.109862	0.221531	0.211307	0.236705
ST13P4	0.0568034	0.118359	0.0871709	0.0939548	0.166187
GJC3	0.0272505	0.151644	0	0.0905611	0.141412
ATP8B5P	0	0.0105696	0.0285803	0.0501594	0.0109836
LOC100134259	0.0460239	0.0321803	0	0	0
LOC389247	0.478533	0.282351	0.167165	0.228231	0.866683
ZNF93	0.0912085	0.050319	0.0444166	0.139944	0.0760981
GPR82	0.00640674	0.00960301	0.00823956	0.0107388	0.0273518
PCDHB11	0.174912	0.422918	0.190669	0.360266	0.421966
ATP6AP1L	0.969617	0.870547	1.18648	1.94359	1.36051
GPR65	0	0.0219222	0	0.00813851	0
CASQ1	0.012776	0.0350327	0	0.0422713	0.032876
FGF5	0.572382	0.484286	0.702045	0.953964	0.639654
FKBP1B	0.0345663	0.0946691	0	0.0577854	0.0846169
CCDC62	0.108635	0.0479361	0.161887	0.251914	0.0635617
FAM86FP	0.877867	1.455	1.77623	2.57585	1.63523
FRK	0.00763275	0.0110118	0.0191844	0.0253213	0.0207862
COL4A4	0.00949534	0.00336581	0.0235874	0.0237807	0.0126687
TCTE3	0.0372184	0	0.0461936	0	0
JUP	0.0236668	0.0155991	0.0261533	0.0198414	0.0424153
CSF2	0.0458503	0	0.0553255	0	0
SLC5A11	0.0150283	0	0.0343697	0.0251244	0
AMOTL1	0.0215487	0.0418941	0.0402331	0.0269243	0.0463
CALHM2	0.149963	0.172088	0.394357	0.359266	0.394497
KRT81	0.886998	0.308657	0.769103	1.68492	0.233729
FAM122C	0.312371	0.51713	0.442519	0.651925	0.601281
LAIR2	0.713945	2.46561	0.543319	1.0074	2.5832
GUSBP2	0.322475	0.0321154	0.056491	0.191286	0.298819
NLRP6	0.093351	0.0298587	0.0274699	0.078035	0.0812455
OTUD7A	0.150134	0.0654952	0.0792524	0.194569	0.158872
GLB1L	0.439847	0.574945	0.580418	0.837513	0.773248
MIR663A	714.423	883.399	874.882	458.663	2409.35
RBPMS2	0	0.027392	0.0484267	0	0.0512709
SLC4A8	1.22326	0.691142	1.0882	2.08764	1.05936
FLJ45513	0.0639967	0.0541355	0.0477009	0.128363	0.066845
NEK5	0.203701	0.165527	0.154299	0.313453	0.224577
FGF1	0.0178915	0.0405752	0.00756977	0.0542185	0.00821621
RPLP0P2	0.664911	0.972722	1.04936	1.19556	1.41563
LOC401127	0.0514519	0.0956385	0.06348	0.14259	0.133944
RBMXL2	0	0.0255998	0.0668937	0.0603352	0.0241193
ITIH2	0.0283121	0	0.0174312	0.0233903	0.0374931
C15orf52	0.048553	0.0584044	0	0.0447369	0.0605461
ASAH2B	0	0.198113	0.0577701	0	0.245527
ANKRD30BP2	0.050856	0.0359582	0.0158852	0.0632843	0.067774
EP400NL	0.420239	0.237842	0.34943	0.70053	0.299705
CYP21A2	0.019978	0.0265663	0.0478873	0.0332461	0.0486982
FAM166B	0.437813	0.500242	0.89961	1.02177	0.766399
LOC100506321	0.0643602	0.045139	0.0396842	0	0.125877
LINC00629	0.0727212	0	0.0233188	0.0305252	0.0256712
ZNF648	0.00851719	0.035884	0.0210259	0.056624	0.0335254

WISP3	0	0.0531098	0.0236015	0.0315573	0.0248773
LRRC37A	0.0543313	0.0315101	0.0278378	0.0448897	0.0822279
SLC2A14	0	0.0757071	0.0165669	0.0893396	0.0352973
SNORA40	3.7095	21.1725	13.6246	6.01582	22.2621
DNAH2	0.00400633	0.00811777	0.00243154	0.0099769	0.00998288
CEP19	0.321359	0.273518	0.495161	0.569238	0.431535
LMLN	0.366717	0.3662	0.474934	0.75775	0.657408
IGF1	0.00595559	0	0	0	0.00424869
CARD14	0.0563805	0.156821	0.126347	0.196588	0.168866
C6orf99	0.317018	0.0732975	0.520388	0.528733	0.476064
AZGP1	0.0616924	0.111757	0.0498854	0.0679482	0.0783704
LOC339524	0.0161419	0.0235582	0.0203686	0.0538829	0
PA2G4P4	0.0160738	0.0230236	0.0100987	0.0401298	0.0108321
GLIS3	0.130049	0.103933	0.0895642	0.204531	0.140395
SYCE2	0.972269	1.17954	0.461907	1.20442	1.60693
PP2D1	0.0190865	0.0392094	0.0170636	0.0159038	0.0725407
FLJ34208	0	0.0608156	0.0538611	0.0744618	0.11214
CYP27A1	0.0699875	0	0.0420783	0.0876355	0.064021
GTF2H2C,GTF2H2D	0.963651	0.919694	1.2061	1.78105	1.22174
GPR56	0.0658968	0.0127472	0.0227852	0.0787706	0.0697114
PTN	0.68308	0.33217	0.156167	0.749856	0.523371
ZNF492	0	0.00696456	0.00602788	0.00783388	0.0133667
PINLYP	0.834118	0.88504	0.694396	1.63903	1.0352
HGFAC	0.0263487	0	0.0309658	0	0.0938258
OSCP1	1.48186	1.91538	1.43461	2.89408	2.74238
GBP4	0.0108585	0	0.0138615	0.0121111	0.0152243
AK7	0.12468	0.13204	0.116129	0.229092	0.169374
METTL7B	2.11282	2.64954	1.45899	3.55377	3.51303
SH3TC2	0.115562	0.0671486	0.093764	0.202444	0.0674664
ZNF669	1.40625	2.41819	1.48465	1.64756	2.15307
CHST13	0.378629	0.382747	0.349527	0.49554	0.596774
CXorf48	0.0140121	0.0200663	0	0	0.0348758
LOC100131564	0.305638	0.295127	0.266145	0.546461	0.331685
COL9A3	14.2873	10.2528	15.12	24.6455	17.9131
PHOSPHO1	0.0259568	0	0	0.0423777	0
SCARNA22	11.7717	53.9214	6.93068	9.34161	57.2956
MGC45922	0.116704	0.234217	0.278732	0.194624	0.43458
CHGB	0.00902781	0	0	0.0147808	0
SP140	0	0.151429	0.0863082	0.111655	0.0424885
ANKRD36BP2	0.0123307	0	0	0.0202123	0
FAM86HP	0.4547	0.797685	1.24482	1.65142	1.06201
ARMCX1	0.0679048	0.160906	0.0141354	0.188299	0.0912847
LINC00167	0.0205917	0.0579193	0.0764239	0.0686034	0.0409237
AGBL2	0.0240409	0.0430744	0.0377853	0.059905	0.0486422
SLC5A4	0.1415	0.0599054	0.0524877	0.0946673	0.148319
RNU11	20.0877	37.8049	27.2457	37.0386	78.1871
VX3B	0.026005	0	0.0307988	0	0.0939933
DSCR9	0.0235051	0	0.0852059	0.0392595	0.0583334
LOC338817	0.00693102	0.0199119	0.00868441	0.0460948	0
LRR1Q4	0.0147394	0	0.0901853	0.0243666	0.0191899
RAMP2-AS1	0.0354375	0.049164	0	0.0294898	0.0406966
HSPA2	0.0136636	0	0	0.0225202	0
C9orf84	0.0041575	0	0.0105977	0.00690477	0.0175483
MAGO2	0.0445888	0	0	0.0735469	0
MYOM2	0.0108629	0.0369754	0.0263255	0.0360234	0.0205348
AKR1B10	0.014848	0	0	0.0245084	0
PCDHB19P	0.0376482	0.0158281	0	0.0179505	0.0224907
KRT20	0.0135671	0	0	0.0224255	0
BTBD8	0.102164	0.0246311	0.0213966	0.0846693	0.0701678
BMS1P4	0.169283	0.323992	0.269707	0.421094	0.459639
SIGLEC7	0.0188037	0	0	0.0310877	0
PADI1	0.0508598	0.0198736	0.0177679	0.0242864	0.0458231
ABO	0.0475451	0.0958599	0.227953	0.27526	0.176646
TMEM31	0.0379768	0	0	0.0628742	0
ST8SIA1	0	0.00310131	0.00267214	0	0.00587812
C22orf26	0.177745	0.192109	0.260082	0.266665	0.309918
RSPH6A	0.0153338	0	0	0.0254123	0
SPDYA	0.088936	0.0779397	0.123652	0.165977	0.148639
HVCN1	0.0634022	0	0.0983454	0.15862	0.0820732
FRMPD2	0.00504298	0	0	0.00836284	0
TBC1D3G	0.0159131	0	0	0.0263913	0
ZAP70	0.148061	0.0743441	0.140954	0.0493523	0.350767
KIAA1210	0.00297512	0	0	0.00493948	0
CD207	0.0136642	0	0	0.0226951	0
TMEM204	0.0304721	0	0	0.0506711	0
ACE2	0.00566084	0	0	0.00941724	0
HUS1B	0.186249	0.442034	0.50696	0.30954	1.1053
SOX10	0.0139132	0	0	0.0231697	0
ZIK1	0	0.0234993	0	0.0136359	0.0109888

GLB1L3	0.00997187	0	0	0.016609	0
TMEM221	0.125042	0.141364	0.0759904	0.139286	0.104491
RPL31P11	0	0.01849	0.0161066	0	0.0355412
BOC	0.00753813	0	0	0.0125723	0
ESPN	0.0167741	0	0	0.0279807	0
SMCR5	0.00979854	0	0	0.0163579	0
STAB2	0.00282464	0	0	0.0047157	0
LOC285889	0.00907615	0	0	0.0151539	0
ABHD1	0.0239808	0	0	0.0400634	0
GATM	0.205586	0.239215	0.246259	0.359561	0.211633
IKZF2	0.0267526	0.0156641	0.031972	0.0448612	0.0239714
LINC00535	0.0420894	0.0780452	0.0346188	0.070096	0.0905013
LOC387895	0.212841	0.146285	0.12946	0.261811	0.27845
SNORA52	7.4104	34.0996	17.4409	35.4861	30.9768
IL21R	0.00636082	0	0	0.0106519	0
C11orf42	0.0330723	0	0	0.0553976	0
C20orf195	0.0432778	0	0	0.072513	0
ZNF610	0.0332703	0.0316744	0.051696	0.0921763	0.0444121
SCARNA9L	0.573312	0.66143	1.28052	1.72268	0.46542
CELF2	0.00305997	0	0	0.00513107	0
ASB16	0.135446	0.209433	0.135648	0.302614	0.19079
LOC101059948	0.24234	0.222203	0.295655	0.400748	0.312804
FOXE3	0.0389743	0	0	0.0654319	0
KLHDC1	0.0654943	0.0880388	0.0563834	0.109704	0.126463
SH3RF3-AS1	0.0231984	0	0.111988	0.0777687	0.0291124
ESRG	0.149231	0.0133655	0.0811574	0.201957	0.0750952
TEX38	0	0.103513	0	0.126902	0.0478701
SLED1	0.0445736	0.123782	0	0	0.285633
LOC100129083	0	0.184115	0.164677	0.228944	0
FGF9	0.235085	0.470322	0.191823	0.452714	0.575093
FOXA3	0.0170643	0	0	0.0288211	0
C5orf56	0.928187	0.770044	0.488429	1.44703	1.35877
CRIP1	1.09384	0	0.388368	0.902312	0.677541
ZNF214	0.181416	0.263714	0.315481	0.526734	0.345168
RSPH10B2	0	0.0213638	0.00941771	0.0253258	0
GPRASP1	0.0888636	0.0574734	0.0766017	0.135401	0.104451
TRIM31	0.0537775	0.0367103	0.0327504	0.110894	0.0511765
GBAP1	1.07038	1.04635	0.86242	1.93878	1.18093
DENND5B-AS1	0	0.20742	0	0.124278	0.0969361
SLA2	0.0343332	0.0312602	0.013957	0	0.115578
FMN1	0.071018	0.0826271	0.0763229	0.141022	0.129983
IGDCC4	0.0747986	0.117616	0.147673	0.226	0.114764
SNORD47	751.886	0	0	401.751	367.622
TSGA10IP	0.443088	0.241131	0.35949	0.464061	0.631303
SPNS3	0.0683907	0.0609433	0.573261	0.456548	0.028043
APOBR	0.033181	0.0316472	0.0293166	0.0544591	0.0781499
WDR16	0.0244295	0.0848331	0.0450827	0.0405246	0.0946925
C17orf107	0.0542739	0.108708	0.146204	0.135685	0.133783
C14orf182	0.00905782	0.012669	0.0781905	0.0600796	0.0472834
RAB44	0.0224982	0.0100132	0	0.0373188	0.0185044
C5AR1	0.159149	0.207975	0.409622	0.552913	0.324439
CEACAM22P	0.0166563	0.0117053	0.0102911	0.0554587	0.0108713
GHR1	0.254147	0.0327794	0.0586114	0.210646	0.156386
GLT8D2	0.0620456	0.0883415	0.12336	0.124217	0.148896
P2RX6	0	0.031505	0	0.0193968	0.0144922
DMC1	0.0176218	0.0127778	0.0222523	0.0146865	0.0604798
AP4S1	0.335017	0.327948	0.514615	0.768886	0.50271
L3MBTL1	0.226537	0.279717	0.20711	0.502379	0.370848
LOC643201	0.016296	0.0228222	0.0537522	0.0360518	0.0567971
DFNB59	0.771873	0.49745	0.776224	1.19771	0.670687
SLC26A7	0.00370078	0.00562912	0.0143916	0.00622322	0.0213738
IRGC	0.0340601	0	0	0	0
YY2	0.430556	0.386067	0.617889	1.04804	0.608305
EMR1	0.0196762	0	0	0.0164174	0
PLAC1	0.0760187	0.17929	0.28381	0.337921	0.0997574
AKR7A2P1	0.0476688	0.0649319	0	0.0396355	0.0301312
LRRC37A3	0.0339328	0.0470296	0.0312399	0.0841435	0.0658418
SLC2A9	0	0.0481441	0.0431226	0.0296157	0.0677631
REG3A	0.0398194	0	0	0	0
PPP4R4	0.496291	0.382196	0.402712	0.838754	0.807908
GYLTL1B	0.0170792	0	0	0	0
AOX1	0.104899	0.0775697	0.0854579	0.113933	0.151183
COL20A1	0.0102425	0.0266827	0.0121013	0.0853632	0
SPATA25	0.178453	0.0789483	0.14226	0.099162	0.290291
VSTM1	0.032127	0	0	0	0
GRIK1	0.0224588	0.0115497	0.0101917	0.0137291	0.0107557
ANKDD1B	0.0179578	0	0	0	0
GALNT8	0.0120029	0	0	0	0
HEPHL1	0	0.0152357	0	0	0.0143413

LST1	0.0998085	0	0	0	0.0545814
RPL23P8	0.122614	0	0	0	0
CCIN	0.0156097	0	0	0	0
LRRC43	0	0	0.0651949	0.0298767	0.022232
SEZ6	0.00765949	0	0	0	0
PLEKHB1	0.0158879	0	0	0	0
AGT	0.0121852	0	0	0	0
ARL10	0.0121035	0	0	0	0
HIST1H4C	0.775129	0.636036	1.69309	1.28452	0.984752
MYO1H	0	0.0231512	0	0	0.0217958
SOX6	0.0101615	0.00374037	0	0.00850385	0.0070338
ST8SIA6	0.0174445	0	0	0	0
LOC100132215	0.0866758	0.0987681	0.150507	0.203217	0.115191
SIX3	0.0169562	0	0	0	0
PTPN13	0.00509952	0	0	0	0
LOC285593	0.0140292	0	0	0	0
IL31RA	0.00742153	0.0233864	0	0	0.0109491
OR2H1	0.00781074	0.0112539	0	0.0130355	0.0209369
LEPREL1	0.00774698	0	0	0	0
IL10	0.0162651	0	0	0	0
CPO	0.0189535	0	0	0	0
TMCO2	0.0415562	0	0	0	0
LEMD1-AS1	0.00959589	0	0	0	0
SMIM17	0.146124	0.208101	0.0881564	0.229032	0.297485
ZFPM2	0.00495698	0	0	0	0
ADH6	0.015758	0.0225569	0	0.0263953	0.0421742
SNCAIP	0.376735	0.232394	0.275289	0.636355	0.322006
RGPD5, RGPD6	0.002854	0	0	0	0
KRTAP2-3	0.791614	0.868051	1.79972	2.62913	1.98191
VWA7	0.0251531	0.0843979	0.105909	0.188825	0.108266
SOX7	0.0284173	0.0944118	0.0946101	0.0951887	0.176614
GPM6B	0.00770218	0.0115682	0.0098823	0.0129138	0.025464
DISC2	0.00472887	0	0	0	0
RAG2	0.0160825	0	0	0	0
CDH6	0.00241628	0	0	0	0
GSG1	0	0.0415644	0.0366183	0.0623673	0.0254059
FLJ36777	0.0206452	0.0149499	0.0259514	0.0171475	0.0567515
PLGLB2	0.00720254	0	0	0	0
C14orf23	0.0143052	0	0.0273379	0.0119629	0.050118
DCC2B	0.0906073	0.0304995	0	0.03778	0.140235
RLTPR	0.0682445	0.0126951	0	0.0486414	0.0462403
LOC100129534	0.350683	0.360663	0.578267	1.02644	0.5769
DCAF4L1	0.0570812	0.0386717	0.117483	0.139249	0.0551346
LOC100507537	0.0336533	0	0	0	0
NLRC4	0.0619065	0.116706	0.171103	0.170968	0.181856
BCAR4	0.131813	0.0571955	0.379808	0.437653	0.118761
GPD1	0.0590753	0.117039	0.105058	0.303562	0.0369311
ACTL7B	0	0.0481242	0	0	0.0875855
SNORA50	0	3.85048	3.36053	0	8.11657
LY96	0.574388	0.391367	1.45488	2.11934	0.671467
HRNR	0	0.00862532	0	0.0102348	0
SCARNA5	0.442883	1.25678	1.07566	0.728713	1.19992
TAS2R19	0	0.0909981	0.0784006	0.153947	0.0433614
XAF1	0	0.00854214	0.00749469	0	0.00800136
GRAP2	0.0184047	0.0253873	0.0225304	0	0.0236087
ACTL8	1.30754	1.4949	1.80316	3.354	1.58186
FAM154B	0.0473536	0.0100718	0.0607566	0.0340309	0.0477123
RNF222	0	0.0294867	0.0132645	0.0182261	0.0409108
KIAA1407	0.257412	0.23006	0.192277	0.46711	0.419082
SNORA1	3.4572	0	0	0	0
HSPB9	0	0.109198	0.0988298	0.138316	0.100612
TMEM14E	0.0206527	0.0304712	0.0521601	0.103003	0.0862648
MMP23B	0.0561224	0.0721074	0	0	0.132522
GRAP	0.0681311	0.0680181	0.0818625	0.226522	0.0835985
COL2A1	0	0.00919873	0.0083508	0	0.00802775
LINC00242	0.132746	0.502771	0.17913	0.343043	0.818286
LOC494141	0.0131713	0.0191124	0	0.0384873	0
PRSS54	0.4514	0.508792	0.452427	1.10301	0.720561
DLG1-AS1	0.0761521	0.129858	0.189857	0.329	0.18268
FAM57B	0.190351	0.0960146	0.287132	0.439502	0.322798
PRAM1	0.103606	0.161218	0.195675	0.376992	0.149213
CDH20	0.0757065	0.169051	0.173577	0.298655	0.155762
CPNE9	0.030958	0.0627602	0.0374208	0.102741	0.0580363
C9orf24	0.198048	0	0	0.165151	0.0371329
KCNT1	0.00871415	0.0114681	0.0207446	0.0290969	0.0313049
C3orf72	0	0	0.0258628	0.0230413	0
S100A3	2.78538	5.08975	3.22195	7.69225	3.76652
MATN4	0.093405	0.0719335	0.0364849	0.155718	0.164506
FEZ1	0.061917	0.0222882	0.0385034	0.0780384	0.062316

AQP7P3	0.397501	0.555408	0.14041	0.466009	1.26076
CALCB	0	0	0.11116	0.0997099	0
STXBP6	0.488835	0.555687	0.466294	0.762422	1.06223
ALS2CR8	0.105268	0.0844817	0.135119	0.188646	0.172277
MLANA	0	0	0.0418846	0.0551557	0.0227724
KRTAP4-7	0.0823308	0.230678	0.30677	0.482652	0.379631
PTHLH	0	0.0349225	0	0	0.0654697
EPHX3	0	0.0283356	0.0759323	0.0695927	0.0520091
SMG1P1	0.0281598	0.067699	0.0295435	0.101667	0.0827064
ALDH3B1	0.0432975	0.114996	0.0173254	0.144301	0.134105
ADCYAP1R1	0.032179	0.00564149	0.029981	0.0538807	0.0156718
PCAT1	0.0371237	0.0171242	0.0457323	0.0408701	0.0159905
C15orf48	0.0403837	0	0.20106	0.135073	0.101723
PTPRVP	0	0.0337772	0.0202855	0.056117	0.0307049
TPRG1	0	0.00919067	0	0	0.0173373
VN1R5	0	0.0397214	0	0	0.0749627
LOC338963	0	0.0643531	0	0.0790392	0
LPAR3	0	0.0529683	0	0	0
SEMA4A	0.0404565	0.0277192	0.0246918	0.0169083	0.140541
COL6A3	0.00315536	0.00428089	0.00382151	0.0156794	0
HSPA1L	0.0671323	0.106654	0.166187	0.256182	0.198151
MRO	0	0.00676797	0	0	0.0128179
ARRDC3-AS1	0.0439678	0.0784042	0.101001	0.206027	0.136705
PDZD9	0	0.0312316	0	0	0.0593197
C19orf38	0.0991627	0.267647	0.119319	0.10976	0.291051
CDHR5	0.0584622	0.019365	0.0174706	0.0975124	0.0421301
CABP7	0.0345503	0.0307233	0.0277253	0.019267	0.0563171
LGR6	0.0111791	0.0303054	0.0406972	0.0685043	0.0280081
MALL	0.0208725	0.0292616	0.0256655	0.0523129	0.0544629
ZNF426	0.0351319	0.0374507	0	0.0437394	0.0470661
CNIH3	0.0410115	0.019086	0.0163994	0.0676827	0.0534098
ZMAT1	0.0906828	0.113983	0.0999706	0.288974	0.139571
LOC100130301	0	0	0.133317	0.0878718	0.0712868
MAP4K1	0.144348	0.156673	0.0873251	0.181457	0.220816
ITIH5	0.0114976	0	0	0.00701834	0
CCDC158	0.0227013	0	0.00701907	0.00929458	0.00748197
KCNJ10	0.00433001	0.00620615	0.00545055	0.00725349	0
PTPRM	0.00877463	0.0122003	0.0108185	0.00728676	0.0227524
FAM227A	0.0827438	0.11563	0.137892	0.275979	0.186991
SAG	0	0	0.0408872	0.0277918	0.0210643
TNFSF13B	0.00834639	0.0374623	0.0321971	0.0418988	0.0473114
MYLK-AS1	0.0482005	0.196431	0.116846	0.319232	0.121585
LOC100128568	0	0	0.13268	0.0902838	0.0684431
TRIML2	0.189957	0.833473	0.152697	0.309133	1.65852
UTS2D	0.0196613	0.0286637	0.0249211	0.0823729	0.0404893
LINC00507	0.0484545	0.0427265	0.0370862	0.113096	0.080987
LOC100507156	0	0	0.0148654	0.0099945	0.00791003
LOC283683	0.111891	0.0544733	0.0943324	0.124536	0.0775876
TRIM55	0.00911811	0	0	0	0.0175937
LRRC46	0.316893	0.0716116	0.234627	0.525321	0.330638
ANKRD31	0.0246249	0.0311021	0.0506152	0.0815337	0.0463623
MFAP2	0	0.101867	0.727273	1.00463	0
TEX12	0.0638381	0.0646673	0.0824642	0.0355612	0.21859
LINC00636	0.0263641	0.0370553	0	0.0875663	0.0347628
FAM153C	0.0765666	0	0.0308629	0.0421348	0.0324724
ZNF853	0.034431	0.0759543	0.0816489	0.133079	0.179109
HECW1	0.0478086	0.0359263	0.0477603	0.129838	0.0555003
FAM196A	0.0113098	0.00817449	0.00710793	0.0282905	0.0231414
HSD52	0.150043	0.0710093	0.0310887	0.04134	0.135411
KLLN	0.140172	0.0667279	0.191485	0.211205	0.251614
GTF2A1L,STON1,STON1-GTF2A	0.0150136	0.00566352	0.00485791	0.0254775	0
LRRN4CL	0.0860718	0.0197914	0.0878022	0.14392	0.0554447
DCDC5	0	0.0126593	0.0110435	0.0146072	0.0237944
GNG3	0.149399	0	0.13783	0.187533	0.238589
KIAA0408,SOGA3	0.0024288	0.00582074	0.00505127	0.0132812	0.00550161
BDNF	0.0352482	0.0416916	0.0299136	0.0787084	0.0241934
CCDC39	0.0191832	0.0138622	0	0.0079131	0.0398061
HLA-DMA	0.357971	0.346867	0.373757	0.645972	0.779828
KGFLP1	0.110624	0.115862	0.16605	0.209039	0.216259
ABCA12	0	0	0.00656167	0	0.00353759
TMEM132B	0.0143734	0	0.0180373	0.0288167	0.0193496
VWF	0.0103786	0.00465952	0	0.0173781	0
IL13	0	0.0331534	0.0877472	0	0.154561
SPATA17	0.0621515	0.264063	0.102792	0.341773	0.247942
CYP3A43	0.0323392	0.0157008	0.0136228	0.0359232	0.0274502
GSTM2	0.179413	0.247257	0.0938582	0.383644	0.417383
TDRD6	0.0248353	0.0232987	0.0318593	0.0832976	0.0381732
NHS	0.00519717	0.0188633	0.0230557	0.0390722	0.0355091
PRSS57	0.105553	0	0.0617927	0.0880185	0.0628024

LCN1	0.0499468	0.064342	0	0.0817183	0.0607545
TMEM173	0.10773	0.0844284	0.037508	0.205846	0.0585929
LINC00264	0.0286631	0.0790458	0.0351147	0.0473788	0.185809
GRM2	0.0214246	0.0576401	0.0259822	0	0.208991
GTF2IRD2	0.0671247	0.113404	0.0909217	0.135897	0.154461
PAPPA	0.00423414	0	0.00265696	0.00706783	0.00284196
LOC646903	0.065267	0.0390741	0.134057	0.196637	0.112974
IGLON5	0.0315917	0	0.0128567	0.0176788	0.0524623
GP1BA	0.159714	0.151901	0.0902581	0.288031	0.340451
ZNF880	0.00897041	0.0128349	0.0450873	0.0297697	0.0239677
C12orf70	0.140909	0.0494847	0.0437716	0.203525	0.139904
LOC653786	0.0373621	0	0.0352724	0.078068	0.0504171
CD4	0.0400838	0.0410263	0.0244083	0.0734371	0.0846301
MIRLET7D	88.7439	0	0	0	0
TTC25	0.0466149	0.0463638	0.0419568	0.11384	0.116658
HMG2P46	0.0487689	0	0	0.0813546	0.0163038
RENBP	0.24394	0.323252	0.195317	0.682093	0.423829
CFP	0.0978105	0.258836	0.176184	0.494177	0.235548
LOC642366	0.0468599	0.0196997	0.0384199	0.0838222	0.0374017
DIO1	0.0140669	0.020149	0.0175833	0.0234152	0.0560449
LPAR5	0.0302769	0	0.0186508	0.0253079	0.0196429
FLRT1	0.047591	0.0317467	0.15731	0.23805	0.116512
TMEM253	0.273095	0.409533	0.180868	0.664677	0.296533
LG4	0	0.0555069	0	0.0466625	0.0170283
GRB7	0.100827	0.0270111	0.121241	0.168628	0.123705
HLA-DMB	0.0193584	0.0267072	0	0	0.0249541
LOC100506388	0.14983	0.123888	0.134909	0.249932	0.233029
EME2	0.372336	0.0683363	0.439478	0.803375	0.432796
PPIL6	0.217956	0.257933	0.207941	0.442642	0.377686
SNORA3	0	10.4388	4.70293	12.7945	10.9384
SNORA65	3.14661	8.2603	3.66149	15.1796	4.34202
ADAM21	0.0636201	0.0344075	0.0400184	0.106025	0.0751664
PTH2	0.378091	0	0	0.319823	0.44871
PAEP	0	0.0523443	0.0469432	0.0646667	0
POU5F1B	0.659836	0.347295	0.463299	1.02695	0.430421
ATF5	17.8762	21.1164	49.2804	74.9907	21.0428
RRN3P2	0.0425537	0.0452792	0.0660588	0.105995	0.113283
NUP210L	0.0150471	0	0	0.00628233	0.00506548
LIMS2	0	0.0314827	0.0286847	0.039809	0
OR51B4	0.0616006	0.0449764	0.0388383	0.10299	0.0843441
ZNF835	0.0355404	0	0	0.0295511	0.0433262
TMEM169	0.0136751	0	0.0170867	0.0113309	0.0274689
KCND3	0.0717248	0	0.0342719	0.0476302	0.0705476
HCG4B	0.318193	0.237917	0.0681625	0.401067	0.263692
KIAA1751	0	0	0.00843153	0	0.0174727
BCAS1	0	0	0.0169126	0.0228269	0
DNAJC9-AS1	0	0.0366353	0.0317111	0.0276894	0.0690866
SNORD33	93.0235	116.037	0	298.191	134.047
TMC2	0.00859493	0	0.0105419	0.0286172	0.0109815
LOC100506385	0.0275539	0.0134644	0.0116126	0.0462573	0.0630806
MEIG1	0.047086	0.266892	0.058474	0.311641	0.37957
FOXD3	0	0	0.0451812	0	0.0943071
SUSD4	0.186162	0.350236	0.16214	0.447094	0.505074
GLTPD2	0.165527	0.208321	0.191077	0.276923	0.761089
SYN1	0.0245618	0	0.0297214	0.0822157	0.0308463
APOL1	0.0272665	0.0498618	0.0221534	0.0301588	0.081499
ANKRD63	0	0.114814	0.106052	0.306101	0
FBLN2	0.0277443	0	0	0.0309152	0.0110515
PIANP	0.0356068	0.0486211	0.105841	0.145425	0.200773
IZUMO4	0.232015	0.153215	0.138678	0.476215	0.418459
GOLGA6C	0.00397992	0.00576648	0	0.0132759	0
CDC65	0	0	0.0159488	0	0.0335388
WEE2	0	0.0106465	0	0.0122639	0.0100562
BEST3	0.45675	0.207546	0.385432	1.07412	0.284969
AIPL1	0	0	0.0132487	0	0.0279651
B3GNT8	0.0274212	0	0.0328218	0.0461109	0.032783
EDN1	0	0.0364562	0	0.0423455	0.0344423
GPR22	0.00658752	0.00994529	0	0.0110272	0
FLJ40292	0	0.0291374	0	0.0347455	0.0268407
KCNC1	0.0114617	0	0.0140593	0.0195026	0.0142118
LOC440173	0.0119197	0.0349319	0.0150909	0.0595506	0.0500922
SLC4A9	0.0714763	0.0284948	0.0619908	0.146343	0.088273
KRTAP5-9	0.154599	0.0846687	0.0761677	0.259952	0.0773796
APOA2	0.26365	0.589293	0.736064	1.28752	0.550117
CRYAB	0.0497665	0.48161	0	0.164312	0.965374
KCNMB2	0.00857634	0	0.0219877	0.0286741	0.036364
C2orf66	0.19131	0.0966863	0.150087	0.550316	0.168552
HSD3BP4	0	0	0.003244	0	0.00693855
SLC7A11-AS1	0.00481453	0	0.0183876	0.0321055	0

RAD21L1	0	0.0165082	0.0143271	0.018832	0.0471578
DCD	0	0	0.0845081	0	0.181337
PREX1	0.0391124	0.0130472	0.0117748	0.0650486	0.0119989
RYR3	0.00154204	0.00213422	0.00379597	0.00511738	0
IGFN1	0.00787939	0	0	0.00652849	0
LOC283731	0.0282608	0	0	0	0.0359587
KCNH6	0.174106	0.0808848	0.0318298	0.0444634	0.254665
HHIPL1	0	0	0.0172358	0.0371016	0
SNORA31	7.24892	10.0959	0	17.563	0
WDR78	0.148101	0.0737027	0.164681	0.372913	0.19622
MACROD2	0.0135577	0.0130666	0	0.0150406	0.0185276
SLC15A1	0	0.0114609	0	0	0.0106427
LURAP1	0.0325335	0	0.0201549	0.0273066	0
TSNAXIP1	0.0798487	0.0609301	0.0137322	0.0563711	0.1416
GLT1D1	0.0108028	0.0149215	0	0.0180218	0
TMEM61	0	0.0611198	0	0.0778391	0.0557653
INHBC	0.0425337	0.0197749	0.0176075	0.0475652	0
BATF2	0.282745	0.255655	0.172038	0.497811	0.391841
ERVV-1	0	0.0143989	0.0253181	0.0507576	0
CD3D	0	0.0538602	0	0	0.0503292
MYO1F	0.0348225	0.046087	0.0830974	0.129939	0.0954504
CAMK2B	0.0357604	0.0361455	0	0.0298783	0.0664769
DNMBP-AS1	0.00861926	0.0123448	0.0107856	0.0429916	0.0116529
STAT4	0.0158388	0.0112647	0.0198187	0.0263337	0.0210155
AMN	0.0555237	0	0.128665	0.0926842	0.127399
C14orf178	0	0.0826113	0	0	0.0769279
LOC284009	0	0	0.167512	0.114464	0.257037
MTTP	0.0213951	0.00770518	0.00670697	0.0266439	0.014524
LOC100506071	0.010857	0	0.0137359	0.0543464	0
NBPF7	0.126624	0	0.0782491	0.189388	0.131209
TMEM89	0	0.288151	0	0	0.266218
SLC35F1	0.00489636	0.00725517	0.00623782	0.0164478	0.00682777
BIN2	0.010751	0	0.0131704	0.0531714	0
LOC100507557	0.0163607	0.0165765	0.0141727	0.0364965	0.02197
MATN2	0	0.0242763	0	0.0190131	0.0149355
ALDOB	0.0396622	0.0566531	0.0371805	0.0990111	0.0935111
ABCA9	0.00328041	0.0048037	0.0124532	0.0219566	0.0180637
NUPR1	0.240384	0.587976	3.23183	4.02446	0.616832
LOC100506082	0	0.364884	0	0.43152	0.230421
WDR63	0.0325665	0.0744158	0.04905234	0.0972374	0.113878
KRT79	0.100681	0.516579	0.241211	0.50084	0.829101
SNORA11B	0	0	5.36398	0	12.1452
CPB2-AS1	0.00588822	0	0.00745082	0.0195513	0
LCE1B	0	0	0.102366	0	0.0363341
CYP4F2	0	0.0170622	0.0151217	0.0412522	0.0315843
SNORA71D	2.88554	7.71301	0	4.70897	3.95406
TAL2	0.213344	0.146218	0.1304	0.528725	0.202811
C3AR1	0.0692009	0.218496	0.0863409	0.231094	0.370268
CACNA1G-AS1	0.0220381	0	0.0269632	0	0.111437
C9orf152	0.0314032	0	0.026283	0	0.055723
C19orf59	0.0197671	0	0.0731633	0.0660463	0.076004
PLVAP	0.0150219	0.0589654	0	0.124844	0.0177695
RFPL1-AS1	0	0.00653658	0.00572303	0.00762655	0.0122315
IQUB	0.0129831	0.0284623	0	0.0215513	0.0270714
OLFML2A	0.00951773	0.00655143	0	0.00795208	0.0120845
SLC46A2	0.0133879	0.0186042	0	0.0224232	0.0512661
PABPN1L	0.0607254	0	0	0.0505708	0.0364906
HLA-DOB	0.1108	0.103182	0.0455371	0.215407	0.119851
DPF3	0.0527254	0.0725771	0.0484869	0.152798	0.084712
SCUBE2	0.0215415	0.00843944	0	0.0503589	0.0078635
LOC158435	0.0105413	0.0144992	0	0.0175953	0.0402961
EPN3	0	0	0.0361203	0.0167023	0.0493117
LOC100302640	0.16791	0.0778776	0.27284	0.369082	0.4362
LOC100505624	0.0354761	0.0489338	0.0871943	0.117406	0.0919572
TAS2R43	0	0.0358881	0	0.039834	0
SPI1	0	0.0484352	0.0441492	0.0621313	0.0886443
HCP5	0.0181792	0	0	0.0304947	0.0119134
HPD	0.0458048	0	0	0.0240602	0.0488265
SLC39A2	0.0212848	0	0.0262044	0.035393	0
SMIM5	0.0244112	0.0311129	0.0913281	0.123512	0.0854905
WNT16	0.0156072	0.011562	0.0100083	0.0261036	0.033159
ZNF528	0	0.015376	0.0201774	0	0.0359411
LDB3	0	0.00743576	0.0319916	0.0175236	0.0477786
ITGB7	0.0634514	0.0170546	0.0459639	0.10591	0.0155338
RIMBP2	0.00435464	0.00611926	0	0	0.0171352
RSPH1	0.213936	0.263133	0.236174	0.838403	0.342766
STEAP1B	0	0	0.0242951	0.0320125	0.0255761
SLFN13	0	0.00364724	0	0.00417041	0
SLC22A9	0.0109182	0.0153819	0.0135461	0.0181978	0.0570781

BFSP1	0.146771	0.252254	0.212947	0.659402	0.329887
SUMO4	0.0364878	0.0530405	0	0	0.147858
FOXP3	0.134155	0.0994001	0.251689	0.546693	0.235331
MEP1B	0.00895631	0.0128652	0.0111312	0.0148347	0
CECR5-AS1	0.10182	0.547675	0	0.507344	0.649892
CALN1	0.00519195	0	0	0.00431875	0.00345339
CHRM1	0	0	0.0165967	0.0230567	0.016607
S100A1	0.411432	0.23579	0.0708116	0.581925	0.728062
PHACTR1	0	0	0.0127793	0.017322	0.0132616
C2orf26	0	0.0183405	0	0	0
EDAR	0	0	0.00728117	0.00979771	0.00764221
MINOS1P1	0.0177977	0.0130327	0.022545	0.0593408	0.0369163
ZYG11A	0	0	0.00745828	0.00994752	0.00799213
PPIAL4G	0.188031	0.106623	0	0.31147	0.199129
OCM	0.0416646	0.0575531	0.0512013	0	0.216692
MYCT1	0.0227737	0	0.0388845	0.0888763	0.0324989
CYP4F3	0	0.0124435	0	0.0146003	0
LINC00854	0	0.036443	0.0328313	0.134906	0.0333635
PLG	0.0129006	0	0.0159626	0.0107406	0.0253936
FAM71F2	0.0241687	0.066407	0.0294507	0.182802	0.0616703
ARHGEF38	0	0.00516833	0	0	0
BTBD19	0	0	0.0416329	0	0.0420707
KRTAP4-6	0.072983	0	0.2281	0.368012	0.0477817
MCAM	0.00905862	0	0	0	0.0223927
HGD	0	0.0174541	0.0153406	0.020571	0.0164239
PLA2G10	0	0	0.0634242	0	0.0650994
LMX1B	0.00579964	0	0	0	0.0143828
LOC100132062,LOC100133331	0	0	0.0129829	0	0.0132315
ITGB2-AS1	0.0139717	0.0188918	0	0.0467604	0.034662
NFASC	0.00551882	0.00377648	0	0	0
LOC100507299	0	0.0437085	0	0.0527739	0
LCE1F	0.0785817	0	0.378487	0.260376	0.196687
ZNF365	0	0	0.00720041	0	0.00783795
LOC729059	0	0	0.0938535	0	0.100057
CNTN4	0	0	0.00521368	0	0.00569663
ADAM32	0	0	0.020226	0	0.0220831
CHST11	0.00858094	0	0.0108203	0.0215878	0.0115161
SLC38A8	0.0671451	0	0.0407821	0.169342	0.0417824
PLAC8	0.0221572	0.0324115	0.10876	0.138944	0.153098
ACER1	0.381914	0.287542	0.465755	0.872611	0.702752
SLC19A3	0.00616193	0.00894669	0	0.0103158	0.016816
C6orf58	0.0391473	0.0866345	0	0.130665	0.0819218
FLJ46361	0	0.00875693	0	0	0
BDNF-AS	0.240492	0.0777869	0.123438	0.408808	0.221891
HIGD2B	0	0.0439283	0	0	0
TMEM119	0.0347391	0.0159859	0	0.0585026	0.0295004
CCDC135	0.0318478	0.0696353	0.0254242	0.123042	0.0897883
SLC22A18AS	0.28707	0.47206	0.37478	0.88462	0.813057
GPR135	0.171702	0.112804	0.101856	0.361854	0.254916
LOC643723	0.0564195	0	0.0358715	0.0236227	0.137093
NLRP14	0.0163419	0.0155335	0	0.0451776	0.00736285
RNF183	0.0878347	0.122283	0	0.29491	0.0377093
LIN28A	0.00610796	0	0.00768742	0	0.024661
CASC1	0	0	0.0101757	0	0.0114472
CXADR	0.00842898	0.0210315	0.0182534	0.0313206	0.0659966
C4orf26	0	0.0191981	0.0324904	0.0205907	0.0894
OR5K2	0	0	0.0353464	0	0.0399764
LOC101101776	0	0.221511	0.0480897	0.128077	0.159027
DLEU7-AS1	0.0130552	0	0.0330128	0.0652699	0.0544724
CCNI2	0.0138262	0.0193805	0.0171732	0.0461854	0.0360002
SAMD15	0.0511633	0.0414985	0.0374577	0.166457	0.0658562
NEFH	0.0154549	0	0	0.012644	0.0276939
SNORA78	0	8.56584	0	10.675	0
NFATC2	0.00784434	0	0.00489237	0.0261825	0
XYLT1	0.00297889	0.00839569	0.00369166	0.024894	0.00389454
NRN1L	0.390387	0.128564	0	0.6511	0.709706
PHEX	0.0165231	0	0.0206012	0.013731	0.0549993
CFL1P1	0.0341975	0	0.0145181	0	0.0464796
EFCAB6	0.0281744	0.0263963	0.0126384	0.0676673	0.055733
LOC100996455	0.0227697	0	0.0278908	0.0756415	0.0581593
STAB1	0.00486238	0	0.00585037	0.00819119	0.0116652
ZNF99	0	0	0.00624219	0.0121184	0
HTR2B	0.0311925	0.0453035	0.0131432	0.121115	0.0426186
NRAP	0.00446289	0	0.00544926	0.00738173	0.011207
KRBA2	0	0.0319144	0.0141135	0.0375819	0.0450597
FOXN4	0.0198718	0.0135561	0.0120719	0.0166183	0.087284
C15orf27	0	0.020082	0.0179537	0.0494423	0
TPTE2P6	0.00853003	0.012585	0.0108484	0.042794	0.0119452
TAS1R1	0.0171199	0	0.0209966	0.0287512	0.0429831

MTUS2-AS1	0.0503082	0.0345125	0.0607198	0.0413646	0.129071
KCTD16	0.00400003	0.00591303	0	0.00667843	0.00560046
RD3	0	0	0.00789045	0.0212276	0
KRTAP3-3	0	0	0.0577216	0.155484	0
PIP5K1P1	0.00604166	0.00868393	0	0.0100763	0.00816087
MYEF2	0	0	0.00498198	0.00648489	0
GPR98	0.00103841	0	0	0	0.00282214
CD8A	0.0118207	0.0909908	0.0322295	0.151974	0.068385
NLRP12	0.0107983	0	0.0131633	0	0.0272526
LOC100505933	0.0203527	0.058239	0.0256508	0.102071	0.108505
TAS2R10	0	0	0.0375246	0.0489043	0
SEMA5A	0.00203543	0	0	0	0.00555097
EXOC3L1	0.0659413	0.0216464	0.039576	0.0553359	0.176172
ECT2L	0.0595733	0.0287131	0.0187477	0.0908032	0.0340559
FCER2	0.16185	0.0614406	0.0825546	0.342767	0.255239
RNF133	0	0	0.0202967	0.0267821	0
RPS15AP10	0.0540129	0	0.0672319	0.0444375	0.147832
LOC401242	0	0.027307	0	0.062217	0.0129162
DSG3	0.00392653	0.0171172	0.00992895	0.039385	0.0323023
DDX43	0.00804225	0	0.0100955	0	0.0219376
RPGRI1	0	0.00782455	0.00698249	0.00937954	0.0218659
CDC164	0	0	0.0117229	0.0158442	0
LOC100288842	0.380092	0.0879804	0.468172	0.631042	0.759928
COL17A1	0	0.0139711	0.00625379	0.0256733	0.0129238
C6orf165	0.0477835	0.0274347	0.0120002	0.142915	0
LSAMP	0.00641575	0	0.00273506	0.00357552	0.00299854
IL15	0	0.0163668	0	0.0184411	0.0279086
WDR11-AS1	0	0.0387668	0	0.029674	0.0488476
SOWAHD	0.036284	0	0	0.0602415	0.0434025
LRRTM2	0.00362479	0	0.013869	0.0181642	0.0253498
RNASE3	0	0	0.0513986	0	0
OLFM2	0.0227236	0	0.0548809	0.114341	0.028635
CGB5	0.179548	0.237728	0.142677	0.80135	0.291919
CHAD	0.0469472	0.0311465	0	0.196165	0.0284895
KLF1	0.0338718	0	0	0.0564313	0.0411731
SSTR5-AS1	0.0142345	0	0	0.0236275	0.0174199
SNCG	0	0	0.0566285	0	0
CELA1	0	0	0.044211	0	0
TRPV4	0.0133644	0	0	0.0223755	0.0162593
GPR61	0	0	0.0131835	0	0
ACPT	0	0	0.0464533	0	0
NCF4	0	0	0.0308369	0	0
C21orf49	0.0219664	0	0.027481	0	0.0288935
SDC4P	0.0720213	0	0	0.117726	0.0927433
FLT1	0	0.00436593	0	0.0127486	0
C14orf180	0.0215439	0	0	0	0.0258949
PDGFB	0.0279091	0	0	0.0466694	0.035108
FLJ42102	0.0132963	0	0	0.022108	0.0169859
LINC00592	0.029686	0	0	0.0497032	0.0378983
TCEA3	0.0171481	0.0459046	0.0415715	0.197763	0.0215546
LOC400558	0.0315978	0	0	0	0.0384488
GAL3ST1	0.0668933	0.0436286	0	0.111686	0.158562
PRR23C	0.0116843	0.0172429	0.0148363	0.0393673	0.0485494
SCN4A	0.0159188	0.00538818	0.0144955	0.0732336	0.00493211
NOS2	0.00701963	0	0	0	0.00869749
SLFN14	0.00710816	0	0	0.0118239	0.00941234
EMR2	0.00427488	0	0	0.00712858	0.00565205
BCL6B	0.0083002	0	0	0.0138977	0.010929
C21orf7	0.0596692	0.0867914	0.181123	0.379586	0.260898
METTL21EP	0	0.0145721	0	0.0163176	0.0274533
OR7E12P	0	0.0360335	0	0.0414593	0.0668948
GNRH2	0	0	0.154396	0	0.466527
PLB1	0.0106366	0	0	0	0.0133883
TDRD12	0.013984	0	0	0.0233744	0.0187731
CEACAM8	0.0107897	0	0	0.0179894	0.0145588
C3orf65	0.0249365	0.0524888	0.0154381	0.0825873	0.0653265
PARK2	0.0290804	0	0.027203	0.0728482	0.0386619
ASTL	0.0319003	0.0427079	0.0382887	0.0532886	0.234064
PCBP3	0.0176484	0	0.0427378	0.0586405	0.0631514
LOC339894	0.0130162	0	0	0	0.0168864
FGF13	0.0109485	0	0	0.0183503	0.0152091
C16orf3	0.0361247	0.049092	0	0	0.134998
SLC51B	0	0.0432256	0	0.052904	0.0800787
MAB21L2	0	0	0.0292211	0.0596262	0.0302742
SCT	0	0.172472	0	0.222197	0.315486
CGB	0	0.0753372	0	0	0.13835
CTAGE10P	0	0.0109413	0	0	0.0208096
CHADL	0.0252336	0.0324473	0.0297833	0.0847969	0.0590904
AFAP1-AS1	0.00381758	0.00536481	0.00472723	0.0318139	0.00498546

PPL	0.0159983	0.00687958	0	0.0350917	0
RSAD2	0.00618407	0	0	0	0.00842312
CD84	0.00269701	0	0	0	0.00367775
LOC100506776	0.0065028	0	0	0	0.00896133
CNTD2	0	0.0381448	0.0683659	0.237591	0
CCBP2	0	0.0310594	0	0.0364934	0.0428494
SSC5D	0.0150467	0	0.00903163	0.0631743	0
FBLN7	0.0381005	0	0	0.064174	0.0236621
ANPEP	0.00888975	0.0237784	0.0106833	0.0445234	0.0327254
DIRAS1	0.0370432	0.0128744	0	0.108925	0.035549
ROBO4	0.028152	0	0.0339931	0.0941869	0.0573522
MPP4	0	0	0.0225812	0.0454313	0.0119223
SEMA3G	0.00660344	0.00890593	0	0.0110061	0.0164868
SGCZ	0.0222022	0	0	0.0183997	0.0148682
SLC22A13	0.0361168	0	0	0	0.0759167
MMP10	0.025576	0	0.0159892	0	0.068734
LINC00652	0.017184	0.0245687	0	0	0.0455834
USP44	0	0	0.00788023	0	0.0261364
TEKT2	0.0214094	0	0	0.0705387	0
GCNT2	0	0.00706712	0	0.00808049	0.00669991
SLC39A5	0	0.0536279	0.0240236	0.0668264	0.122562
SNORA36A	0	3.95065	0	0	7.91866
GDF5	0.0147508	0	0	0.0491653	0
SNORA71C	5.91404	0	0	14.461	0
UPK1B	0.0118872	0	0	0.0396582	0
LOC100507244	0.0140613	0	0	0.0470187	0
SPATA4	0	0	0.0522089	0.0346065	0.0288053
OLFML1	0.00823994	0.0116156	0	0.0410887	0.0108306
SLC26A8	0	0.0109517	0	0.0129046	0.010295
LOC100129269	0.0329862	0.0225888	0.0404803	0.109485	0.128027
MFSDB2	0.0272972	0	0	0.0921368	0
LRRC10	0.0106242	0.0149273	0.0131658	0.0708242	0.0414672
MT1H	0.157703	0	0	0.25925	0
CD200R1	0.0184339	0	0	0	0.0128886
LILRB1	0	0.013856	0.0123751	0.0170942	0
KRT222	0.182192	0.0353283	0.092109	0.482938	0.202539
GSDMA	0	0	0.0168487	0.022947	0.0346504
FBN3	0.00407842	0	0	0.00685704	0
PLK5	0.024912	0	0	0.0418795	0
NR5A1	0.0128321	0	0.0154766	0.021424	0.031547
FLJ40852	0.0206747	0	0.0642998	0.119796	0.0823652
PLEKHH2	0.00293822	0	0.00371198	0.00977231	0.0080329
PTPRG-AS1	0	0.0133952	0	0.0302055	0
CD200	0.0107665	0	0	0.0179996	0
UQCRBP1	0.0285246	0	0	0.0478166	0
HOGA1	0.0466855	0.0215016	0.0309565	0.155425	0.0810009
ZNF671	0.00960473	0.0134554	0	0	0.0124479
TMEM176B	0.0300862	0	0	0	0
C12orf50	0	0	0.0155697	0.0206326	0.0340287
TM6SF2	0.0263314	0	0	0	0
ZACN	0	0.0354109	0	0	0.0326152
CXorf58	0	0	0.0204658	0.0271753	0.0450642
PNLIPRP1	0.017776	0	0	0	0
TNS4	0.0145997	0	0.00890183	0.0610083	0.0090704
CLDN20	0	0	0.025484	0	0.05383
CEACAM1	0.0201685	0	0	0.0123438	0.0196439
NNAT	0.0650836	0	0	0.109462	0.122678
CHRM5	0.00792591	0	0.00987071	0.0132251	0.051459
SNORA68	0	13.255	3.8846	15.5535	23.5214
MYBPC2	0.0256102	0.0226093	0	0.0141428	0.0728742
STON2	0.00535354	0	0	0	0.0139668
HSPB6	0.0305809	0	0.0368519	0.101751	0.0384173
MYO1A	0.0141244	0.00964763	0.0172691	0.0351824	0.0177789
STAC2	0.00968375	0	0	0	0.0360497
UOX	0.0138353	0	0.0174439	0.0917533	0
RUFY4	0.0223088	0	0	0.0367865	0.0273816
L1CAM	0	0	0.00801198	0.0222769	0.00809721
FLG	0	0.00246048	0	0.00301299	0
ITGA2B	0	0.0147511	0	0.0370941	0
GPA33	0	0	0.0125816	0.0171304	0.0129599
LOC650368	0.0705437	0	0	0.117381	0.0295649
NARR,RAB34	0.053615	0.0367011	0.127704	0.334393	0.284218
NRADDP	0.0655151	0	0	0.0547723	0.081667
LOC100240735	0	0	0.0437518	0.0585014	0.0473464
LOC100128573	0	0	0.0963544	0.131617	0.10333
GJD4	0	0	0.0391949	0.0547802	0.0403151
CRSP8P	0	0	0.0268959	0	0.027777
LOC100287072	0	0	0.0125401	0	0.0135581
SLC52A3	0	0.0184076	0	0.0227385	0.050396

LINC00336	0	0.0188854	0.0169762	0.046165	0
PRICKLE2-AS3	0	0.0113304	0	0	0.031859
LINC00161	0	0	0.0628119	0.179711	0.0729583
AFF3	0	0.00888589	0	0	0.0248148
CXCR2	0	0.0134129	0	0	0.0374587
MILR1	0.10652	0	0	0.17622	0.0692218
LOC348761	0.0243071	0.0111779	0.0198484	0.0808516	0.0311552
PPP1R27	0.129305	0.0855165	0	0.539788	0.23507
IL12RB2	0.0192703	0	0.00797512	0.0535074	0.0250554
CCBE1	0.00753934	0	0	0.00629346	0.00513005
FSIP1	0.00719758	0.0104096	0.00908006	0.0595768	0.0398145
LRRC4	0.020066	0.00941234	0	0.0448028	0.0436697
CCR6	0.0285671	0.0208035	0.0180467	0.11941	0.0877749
PHYHD1	0.0386926	0	0	0.0323222	0.0972358
CCM2L	0.0188829	0.0252239	0.0226186	0.0943825	0.0232284
SYNPO2L	0.0076152	0	0.00933802	0.0254416	0.0193191
SNORA14B	0	0	4.59193	0	5.69326
APOBEC3H	0.0625234	0	0	0.154656	0
RSPH9	0	0.0556479	0.100267	0.205484	0.102629
MSR1	0.00775113	0	0	0.0225306	0.0107904
FLT4	0	0	0.0103235	0.0144149	0
DSCR6	0.0146205	0	0	0.0243767	0.0388988
COL24A1	0	0	0.00768852	0.0153887	0.0124512
TSPAN18	0	0.00972675	0	0.0118158	0.0179823
LOC100128164	0.00360426	0.0051996	0	0	0.0384437
SLC13A4	0	0.0141131	0	0.0173196	0.026026
SNORD55	297.71	0	0	0	1301.93
LOC728989	0	0	0.0364767	0.049528	0.112977
TMIGD2	0	0.0393494	0	0	0.0721554
NOX4	0	0.00759952	0	0.00854953	0.00722952
MC2R	0.00581844	0	0	0	0.015789
LINC00598	0.00681406	0	0	0	0.0308256
LOC100505817	0.0190257	0	0	0	0.0524864
OPCML	0	0.00502096	0	0.00578562	0.0047076
MIR637	0	39.8706	0	50.2642	133.111
SNORD83B	0	0	60.4028	0	0
GDAP1L1	0	0	0.0140808	0.0209764	0
C1orf227	0	0	0.0858507	0	0.271811
CIB4	0.0454635	0	0	0.151339	0.0574147
FAM179A	0.0104637	0	0	0.0173276	0.0126362
CCDC87	0.0319945	0.0290502	0.0130667	0.124448	0.0669998
HAS1	0.0281952	0	0	0.0474181	0.0343112
FAM223B	0.0471002	0	0	0.155878	0.0619266
LOC100506274	0.0265187	0	0	0.087735	0.0352561
ZNF667	0.00540196	0	0	0.0179229	0.00732845
NUGGC	0.00673751	0	0	0.0111346	0.00858776
PSD2	0.00664176	0	0	0.0111098	0.00839132
SPAG6	0.00938981	0	0	0.0312145	0.0128995
ZNF582-AS1	0	0.0474275	0.0320355	0.166821	0.0891357
MARCH4	0.0073121	0	0	0.0122789	0.00925292
CECR1	0.00990845	0	0	0.0165904	0.0130723
TEX40	0	0	0.0705051	0.196963	0.141907
LOC730227	0.00996103	0.0142483	0	0.0332357	0.0124908
SNAI2	0.0124078	0	0	0.0206776	0.0170743
MEIOB	0.0123689	0	0	0.0205108	0.0172103
PDZRN4	0	0	0.00869966	0.0114151	0.0183533
P2RX2	0.0237133	0	0	0.0733319	0
KCNMB4	0.00537222	0	0	0.0089668	0.0074818
FNDC7	0.00764076	0	0.00949263	0.0127229	0.0299274
FAM90A2P	0	0.115872	0	0.217365	0.272817
PSG3	0.0121581	0	0	0	0.0161645
TMEM236	0.00417653	0	0	0.00699006	0.00594617
C10orf62	0	0	0.0291824	0	0.0591057
GRM6	0	0	0.00647805	0.00880183	0.0136762
NECAB2	0.0220417	0.0880557	0.132616	0.476694	0.297212
LOC145474	0.0117308	0	0	0.0196895	0.0169766
SAMD14	0.0133669	0.0176252	0.0160105	0.133698	0.0322614
NODAL	0.0136253	0	0	0	0.0687614
KRT16	0.0226353	0	0	0.0748216	0
GGTLC1	0.0397464	0.0523353	0.0470097	0.329248	0.0958955
PROK1	0	0.0323118	0	0.0387721	0
ITGB8	0.00237962	0	0	0	0.00341574
GGNBP1	0	0.0421062	0	0.157202	0
TBC1D3P2	0.0162236	0	0	0.0539927	0
TRO	0.00772155	0	0	0.0258111	0
INGX	0.0327597	0	0	0.0544955	0
GUCY2C	0	0.00789344	0	0.0184138	0.0222126
PACRG	0	0	0.0234326	0.0628143	0.024867
MEFV	0.00955082	0	0.0116863	0.0158889	0.0610446

GSTM2P1	0.0242502	0	0	0.0403234	0
PPARGC1A	0.00336786	0	0	0.005634	0
KCNJ12,KCNJ18	0	0	0.00882123	0.033874	0
SCRT1	0	0	0.0206477	0	0.0206893
TRAF3IP3	0.0112201	0	0	0.0184895	0.0418923
LOC100130451	0.01356	0	0	0	0
DUOX2	0.00489429	0	0	0.00816797	0.018505
FLJ46300	0	0	0.0110625	0.0451556	0
KRTAP3-2	0.0975825	0.0678399	0	0.485672	0
C12orf71	0	0.0437193	0	0.105292	0.0811076
C21orf62	0	0.0165478	0	0.0383504	0.0234767
CD300C	0	0	0.0259563	0.107331	0
INSC	0	0	0.0123878	0.0166024	0
NRXN2	0.0286599	0.0378835	0.0171001	0.238896	0.0347424
SPACA4	0	0	0.0584435	0.163036	0
SH2D6	0	0.0643255	0	0.0804446	0.117539
DHH	0.028678	0	0	0.0481444	0.0690885
TNFRSF4	0	0.0571935	0	0.0745494	0.261233
CCDC173	0.00886228	0	0.0110861	0.0582093	0.0120372
LDLRAD2	0.00961992	0	0	0.0160938	0.0235965
PCOLCE-AS1	0.0281313	0	0	0.0703585	0.0702077
LOC100133669	0	0.0800789	0	0.400342	0.0725787
TMEM232	0.00612051	0	0	0	0.025945
LOC100131655	0.0253413	0	0	0.0419825	0.0663999
CLDN5	0.0282318	0	0	0.0715057	0.102465
GRID1	0	0.00658858	0	0.0238182	0
KBTBD12	0	0	0.011291	0.0301626	0.0238838
PAPPA2	0	0	0.013839	0.0344646	0.021986
S100P	0.0713703	0	0	0.117833	0.0895893
WDR87	0	0	0.00272907	0.0145729	0.00283983
SNX29P1	0.0685313	0	0.0417173	0.341516	0.128597
PCDH19	0.00297915	0	0	0.00998223	0.004022
MESTIT1	0	0.00946864	0	0.0445893	0.0176885
TREM1	0	0	0.0374258	0.0503264	0.0925757
KCNMA1	0.00412208	0	0.00521577	0.0624835	0
RPS2P32	0.0457228	0	0	0.227842	0
CERS3	0.0125897	0	0	0.0315253	0.0425656
ADAMTS16	0	0.00785766	0	0.0189679	0.0145065
OGN	0.00724373	0	0	0.0363031	0
ANXA2P1	0.0171819	0	0	0.0567603	0
LOC100507066	0	0	0.0381495	0.15294	0
DMGDH	0	0	0.00858541	0.0227796	0
GPR1	0	0	0.0146266	0	0.0641371
CRB1	0.00484455	0	0	0.0112355	0.0130056
BZRAP1-AS1	0.0343491	0	0	0.14431	0.022533
LY6G6C	0	0.063184	0	0.302609	0.176857
HCG11	0.0037386	0	0	0.0125792	0.0106043
SEMA3E	0	0.00501507	0.00432098	0.0337559	0.0239576
TIAM1	0.00388499	0	0	0.0129337	0.00505899
LOC388553	0	0	0.0322387	0.221839	0
MAGEB2	0.033169	0.0471395	0.0621418	0.800574	0.311196
GPR39	0.0122662	0	0	0.0204099	0.0154012
LOC100507173	0.019296	0	0	0.041363	0.196765
TMEM156	0	0	0.0293106	0.231836	0.0645249
TBC1D3P1-DHX40P1	0.0188002	0	0.0469378	0.311695	0.0253868
ZFR2	0.00906942	0	0	0	0.0585882
MUC4	0.00191615	0	0	0.00319669	0.0333844
DDX11L1	0	0	0	0	0.0234812
CLCNKA	0	0	0	0.0253157	0.0186059
CDA	0	0	0	0.0623778	0.0465826
ALPL	0	0	0	0.0256359	0.0376128
NCMAP	0	0	0	0.0101254	0
TINAGL1	0	0	0	0.0361762	0
HCRTR1	0	0	0	0	0.0248517
FAM159A	0	0	0	0	0
PRKAA2	0	0	0	0	0
LOC100131060	0	0	0	0.0536358	0
IL23R	0	0	0	0	0.00977045
ST6GALNAC3	0	0	0	0	0.0296639
GIPC2	0	0	0	0.0129128	0
DNASE2B	0	0	0	0	0.0350717
FLJ31662	0	0	0	0	0
LOC643355	0	0	0	0.0131703	0.0323143
TDRD10	0	0	0	0	0
POU5F1P4	0	0	0	0	0.0387106
RXFP4	0	0	0	0.0665733	0.0982173
RAB25	0	0	0	0	0.0815541
RHBG	0	0	0	0.0327133	0
KCNJ9	0	0	0	0.0488071	0.0122762

VANGL2	0	0	0	0	0	0
FCGR2A	0	0	0	0	0	0
SNORA77	0	0	0	0	8.14356	0
LINC00260	0	0	0	0	0	0.0282964
IL24	0	0	0	0.0202658	0	0
CR1	0	0	0	0	0	0.00371078
CAMK1G	0	0	0	0.0191045	0	0
HSD11B1	0	0	0	0	0	0.0228907
TGFB2	0	0	0	0.00677712	0	0.022931
LINC00184	0	0	0	0	0	0
C1orf233	0	0	0	0	0	0.0758974
TTC34	0	0	0	0	0	0.0339444
SLC2A7	0	0	0	0	0	0.0374607
SPATA21	0	0	0	0	0	0
LOC339505	0	0	0	0.0109813	0	0
HTR1D	0	0	0	0.0166908	0	0.0133603
RUNX3	0	0	0	0.0152126	0	0
LAPTM5	0	0	0	0	0	0.0166439
COL16A1	0	0	0	0	0	0.0219361
DLGAP3	0	0	0	0	0	0
POU3F1	0	0	0	0	0.105418	0
CYP4A11	0	0	0	0	0	0.0296828
C1orf141	0	0	0	0	0	0.0270689
PTPN22	0	0	0	0.0101351	0	0.00810193
AMPD1	0	0	0	0	0	0.0132891
REG4	0	0	0	0	0	0.0256936
FCGR1B	0	0	0	0	0	0.0195324
LINC00624	0	0	0	0.0105023	0	0
SCARNA4	0	0	0	0	0	4.03649
ADAMTS4	0	0	0	0.0132537	0	0.0296283
FCGR3A	0	0	0	0.0171272	0	0
C1orf111	0	0	0	0.0509392	0	0
LOC400794	0	0	0	0	0	0.0436865
F5	0	0	0	0	0	0.00593101
SELL	0	0	0	0	0	0.0136067
SELE	0	0	0	0.00933123	0	0
SNORD76	0	0	0	0	0	240.024
ASTN1	0	0	0	0	0	0.00455461
ANGPTL1	0	0	0	0	0	0.0226381
NMNAT2	0	0	0	0	0	0.00582378
APOBEC4	0	0	0	0	0	0.0113506
FAM129A	0	0	0	0	0	0
LOC100131234	0	0	0	0	0	0.0623913
MYOG	0	0	0	0	0	0.0296863
IRF6	0	0	0	0	0	0.00730515
AKR1C3	0	0	0	0.0390165	0	0.0267429
LINC00707	0	0	0	0.011644	0	0.00964148
GATA3	0	0	0	0.019018	0	0
ZNF32-AS3	0	0	0	0	0	0.0323799
GLUD1P7	0	0	0	0.0192588	0	0
GPRIN2	0	0	0	0	0	0.0258327
LINC00595	0	0	0	0.197606	0	0
FFAR4	0	0	0	0	0	0
CYP2C9	0	0	0	0	0	0
TLX1	0	0	0	0.0331452	0	0
ELOVL3	0	0	0	0.0342642	0	0
PLEKHS1	0	0	0	0	0	0.0102955
ARMS2	0	0	0	0	0	0
MIR4484	0	0	0	0	0	254.617
VENTX	0	0	0	0	0	0.0192177
TUBB8	0	0	0	0.0361768	0	0
LOC441666	0	0	0	0	0	0.00403904
LINC00842	0	0	0	0	0	0.0113885
ANXA8	0	0	0	0	0	0.0377601
RBP3	0	0	0	0	0	0
CRTAC1	0	0	0	0	0	0.015568
CALHM3	0	0	0	0	0	0.0347644
MMP21	0	0	0	0.0285031	0	0
LOC338651	0	0	0	0.0222795	0	0.0164968
ART1	0	0	0	0.0501358	0	0
OR5112	0	0	0	0	0	0
OR52D1	0	0	0	0	0	0.0379592
OR10A2	0	0	0	0	0	0.0473613
OR10A4	0	0	0	0.0506911	0	0
MRV11-AS1	0	0	0	0	0	0
OR7E14P	0	0	0	0	0	0.0357694
LDHAL6A	0	0	0	0	0	0
FSHB	0	0	0	0	0	0.0172383
LOC221122	0	0	0	0.0424903	0	0

FAM180B	0	0	0	0	0.0284602
MS4A7	0	0	0	0	0.0117042
SLC22A10	0	0	0	0	0.0119964
TBC1D10C	0	0	0	0.0489686	0
SHANK2-AS1	0	0	0	0.0184582	0.0142978
SHANK2-AS3	0	0	0	0.0241299	0
FAT3	0	0	0	0.00187193	0
FOLR4	0	0	0	0	0
C11orf53	0	0	0	0	0.0505052
CXCR5	0	0	0	0	0
PDZD3	0	0	0	0	0.0373522
GRIK4	0	0	0	0.0196396	0
PANX3	0	0	0	0.0295749	0
FLI1	0	0	0	0	0
ADAMTS15	0	0	0	0.00995009	0.0148092
HBB	0	0	0	0.0844277	0
ASCL3	0	0	0	0	0
PLEKHA7	0	0	0	0.0104692	0
MUC15	0	0	0	0	0
DCDC1	0	0	0	0.0224744	0
ELF5	0	0	0	0	0.0153271
MYBPC3	0	0	0	0.0140059	0
DKFZP434K028	0	0	0	0	0.0420912
SNORD31	0	0	0	0	894.199
GAL3ST3	0	0	0	0	0
TBX10	0	0	0	0	0
MRGPRD	0	0	0	0.0738519	0
PHOX2A	0	0	0	0	0
P4HA3	0	0	0	0	0.0148746
TENM4	0	0	0	0	0
SNORD6	0	0	0	0	0
TRPC6	0	0	0	0.00826581	0
MMP7	0	0	0	0	0.030806
MMP3	0	0	0	0	0.0488488
GUCY1A2	0	0	0	0	0
LOC100131626	0	0	0	0	0
SCN3B	0	0	0	0	0.00606649
RIMKB	0	0	0	0	0.00516051
H1FNT	0	0	0	0	0.0806413
ARHGEF25	0	0	0	0.0211883	0
SYT1	0	0	0	0	0
OTOGL	0	0	0	0	0
PLEKHG7	0	0	0	0	0.00860596
RPH3A	0	0	0	0.020863	0
DTX1	0	0	0	0	0
MIR3908	0	0	0	0	6.31761
FLJ37505	0	0	0	0	0.0146205
GPR133	0	0	0	0.00958896	0
LOC100271702	0	0	0	0	0.0190631
ANO2	0	0	0	0	0
AICDA	0	0	0	0.0143694	0
TAS2R13	0	0	0	0.0221373	0
TAS2R50	0	0	0	0	0
PRB3	0	0	0	0	0.0371471
SLCO1A2	0	0	0	0	0
FAM186A	0	0	0	0	0.00817028
KRT73	0	0	0	0.0235656	0
KRT1	0	0	0	0	0.0136115
CMKLR1	0	0	0	0.00775633	0
NOS1	0	0	0	0	0
HCAR3	0	0	0	0	0
SPERT	0	0	0	0	0.0332891
MLNR	0	0	0	0	0
FAM124A	0	0	0	0	0
NALCN-AS1	0	0	0	0.0141913	0
GPR12	0	0	0	0	0
LINC00571	0	0	0	0.10651	0
KCTD4	0	0	0	0	0.0152149
CPB2	0	0	0	0.0225747	0
LINC00563	0	0	0	0	0.0232128
LECT1	0	0	0	0.0311179	0
POU4F1	0	0	0	0	0.0113344
LINC00410	0	0	0	0.0177839	0
RNASE2	0	0	0	0	0.0501123
NYNRIN	0	0	0	0	0
SSTR1	0	0	0	0	0.0112517
PLEKHD1	0	0	0	0.031044	0.0228566
SLC24A4	0	0	0	0.00453506	0
SNORA28	0	0	0	12.4364	0

TDRD9	0	0	0	0.00805885	0
MYH6	0	0	0	0	0
PRKD1	0	0	0	0	0
EGLN3	0	0	0	0	0.0136913
OTX2	0	0	0	0	0
SLC35F4	0	0	0	0.0252645	0
SNORA79	0	0	0	0	25.1518
NPAP1	0	0	0	0.00498006	0
SNRPN,SNURF	0	0	0	0	0
PAR-SN	0	0	0	0	0.0191773
FGF7	0	0	0	0.0166401	0.00722365
SCG3	0	0	0	0	0.00890852
LDHAL6B	0	0	0	0.0222417	0
CYP1A2	0	0	0	0	0.0127078
LOC646938	0	0	0	0	0.127395
SH3GL3	0	0	0	0	0
SV2B	0	0	0	0.00357217	0
ULK4P1,ULK4P3	0	0	0	0	0.0302775
PPP1R14D	0	0	0	0	0.0616058
PLA2G4E	0	0	0	0	0
BCL2L10	0	0	0	0.216691	0.244059
CILP	0	0	0	0	0.00731839
STRA6	0	0	0	0.0228295	0
LINC00597	0	0	0	0	0
TMC3	0	0	0	0.0133565	0
PRR25	0	0	0	0	0.0560341
SYT17	0	0	0	0	0.02321
ACSM5	0	0	0	0	0
VWA3A	0	0	0	0.00944387	0.00720062
FLJ21408	0	0	0	0.170315	0
CD19	0	0	0	0.0287889	0
SNORA30	0	0	0	0	6.91842
NOD2	0	0	0	0.0231569	0
MT1A	0	0	0	0	0.385381
GPR97	0	0	0	0	0.0148873
CLEC18C	0	0	0	0	0.0228045
CDH13	0	0	0	0.0107975	0
FOXC2	0	0	0	0	0.0556128
IL17C	0	0	0	0	0.0561349
LINC00235	0	0	0	0.268228	0
PTX4	0	0	0	0	0.0418413
ERN2	0	0	0	0.048389	0
LOC388242	0	0	0	0	0.0356369
CSDAP1	0	0	0	0.0301614	0
CNGB1	0	0	0	0	0
CDH11	0	0	0	0	0
DPEP2	0	0	0	0.0326067	0.0240783
TUSC5	0	0	0	0	0.0129075
GUCY2D	0	0	0	0.0217704	0
ALOX15B	0	0	0	0.0222826	0.0166299
SNORD65	0	0	0	638.443	0
KRT16P1	0	0	0	0.034015	0
GRAPL	0	0	0	0.0654518	0.0493283
SNORD4B	0	0	0	0	0
MIR4523	0	0	0	0	855.952
LHX1	0	0	0	0	0
IGFBP4	0	0	0	0.0293947	0
CD300LG	0	0	0	0	0.0151368
IGF2BP1	0	0	0	0	0.0041699
ABI3	0	0	0	0.0289171	0
MYCBPAP	0	0	0	0	0.0106956
EPX	0	0	0	0	0.032918
C17orf64	0	0	0	0.0576868	0
SNORD104	0	0	0	0	235.303
SOX9	0	0	0	0	0
OTOP2	0	0	0	0	0
P2RX1	0	0	0	0	0.0136395
GGT6	0	0	0	0.0214556	0
CDRT15	0	0	0	0.123507	0
FAM106A	0	0	0	0	0.0147718
EPN2-AS1	0	0	0	0	0.0291523
KRT16P3	0	0	0	0.0277344	0
KRT18P55	0	0	0	0	0.0379492
OMG	0	0	0	0.0355819	0
GAS2L2	0	0	0	0	0.0128996
C17orf66	0	0	0	0.0196931	0
TBC1D3H	0	0	0	0	0.0176858
HNF1B	0	0	0	0	0
LOC284100	0	0	0	0.0184448	0

NEUROD2	0	0	0	0.0296441	0
KRT12	0	0	0	0.0247815	0
KRTAP1-1	0	0	0	0.071964	0
KRT42P	0	0	0	0	0.0131511
TAC4	0	0	0	0	0
DLX3	0	0	0	0.0434312	0
MIR3064	0	0	0	0	0
SDK2	0	0	0	0	0.00373235
BTBD17	0	0	0	0	0.0518444
FOXJ1	0	0	0	0	0
NPTX1	0	0	0	0	0.00760767
LOC100130370	0	0	0	0	0.0552662
GREB1L	0	0	0	0.00651231	0
SIGLEC15	0	0	0	0	0.054123
ST8SIA3	0	0	0	0	0
SERPINB5	0	0	0	0.0141087	0
DLGAP1	0	0	0	0.00806979	0
SLC25A52	0	0	0	0	0.0304337
SNORD58A	0	0	0	0	1481.21
GRIN3B	0	0	0	0.0383311	0.0524508
CREB3L3	0	0	0	0	0.0137847
FSD1	0	0	0	0	0.0250457
CLEC4GP1	0	0	0	0.0326771	0.0248909
CASP14	0	0	0	0	0
F2RL3	0	0	0	0.0227362	0
NCAN	0	0	0	0.00715494	0
CD22	0	0	0	0.0701359	0
LOC644189	0	0	0	0.0357307	0
ZNF570	0	0	0	0	0.0135923
LOC644554	0	0	0	0	0
CYP2G1P	0	0	0	0	0.0134677
IGSF23	0	0	0	0	0
CGB2	0	0	0	0	0.0901022
SNAR-F	0	0	0	0	0
GPR32	0	0	0	0	0.0418404
KLK3	0	0	0	0.0320192	0
ZNF818P	0	0	0	0	0
TTYH1	0	0	0	0	0
LILRA2	0	0	0	0	0.0218174
TMEM190	0	0	0	0.1484	0.21255
ZNF542	0	0	0	0	0.00892288
ZFP28	0	0	0	0	0.0143087
ZNF304	0	0	0	0.00791839	0
TUBB4A	0	0	0	0	0
CD70	0	0	0	0	0.0672707
PTGER1	0	0	0	0	0.0862129
PRODH2	0	0	0	0.0398018	0
RASGRP4	0	0	0	0	0
CYP2A6	0	0	0	0	0.0494886
CXCL17	0	0	0	0.065714	0
PGLYRP1	0	0	0	0.0814429	0.0589915
PTGIR	0	0	0	0.037587	0
GNG8	0	0	0	0	0
CABP5	0	0	0	0	0
TULP2	0	0	0	0.0296131	0.0222311
KLKP1	0	0	0	0	0.0332175
KLK7	0	0	0	0.0220368	0
SIGLEC14	0	0	0	0.0255187	0
ZNF677	0	0	0	0	0.0151364
LILRA5	0	0	0	0.039963	0
TMEM150B	0	0	0	0	0.0653103
ZSCAN5B	0	0	0	0.0283669	0.0213087
SNTG2	0	0	0	0.0564679	0
VSNL1	0	0	0	0	0.0162371
DPYSL5	0	0	0	0	0
TRIM54	0	0	0	0	0.0234182
LBH	0	0	0	0	0
QPCT	0	0	0	0	0.0209682
TMEM247	0	0	0	0	0
ARHGAP25	0	0	0	0	0
C2orf78	0	0	0	0.06559	0
LOC284950	0	0	0	0	0.0106359
IL1RL1	0	0	0	0	0.0118365
IL18RAP	0	0	0	0	0
C2orf40	0	0	0	0	0.0700528
RNU4ATAC	0	0	0	0	0
PROC	0	0	0	0.0377537	0.0273659
CCDC74B-AS1	0	0	0	0	0.0485369
AMER3	0	0	0	0.00810035	0

SLC4A10	0	0	0	0.00624211	0
LOC100506134	0	0	0	0.137421	0
B3GALT1	0	0	0	0	0.0134534
SATB2-AS1	0	0	0	0	0.0126918
TUBA4B	0	0	0	0.0357905	0
LOC151484	0	0	0	0.0271386	0
AQP12A	0	0	0	0.0898723	0
AGXT	0	0	0	0.043152	0
CYS1	0	0	0	0.0268192	0
OTOF	0	0	0	0.0121825	0
XDH	0	0	0	0	0
CDKL4	0	0	0	0.0486019	0
FLJ16341	0	0	0	0.0283605	0
RGPD1,RGPD2	0	0	0	0	0.00392197
FABP1	0	0	0	0	0
LOC442028	0	0	0	0	0
ADRA2B	0	0	0	0	0
TUBA3E	0	0	0	0	0.0274182
LYPD1	0	0	0	0.0572729	0
ZNF385B	0	0	0	0	0
HECW2	0	0	0	0	0
DIRC3	0	0	0	0	0
EPHA4	0	0	0	0	0
FAM124B	0	0	0	0.0370039	0
GPR55	0	0	0	0	0.0175534
NMUR1	0	0	0	0.0178366	0
C2orf54	0	0	0	0	0.0215531
OXT	0	0	0	0	0.21632
SNAP25	0	0	0	0.0190628	0
OTOR	0	0	0	0.0243666	0
CST7	0	0	0	0	0.0460886
HCK	0	0	0	0.0252059	0.0186892
LOC100287792	0	0	0	0	0.0171414
SLC32A1	0	0	0	0.0347372	0
HNF4A	0	0	0	0	0
RBPJL	0	0	0	0.0286665	0
WFDC2	0	0	0	0	0.103171
SLC12A5	0	0	0	0	0.00711754
LINC00494	0	0	0	0.0113181	0
LINC00658	0	0	0	0	0.0231743
CD93	0	0	0	0	0.00497829
GHRH	0	0	0	0.168579	0
MAFB	0	0	0	0	0.0158625
GTSF1L	0	0	0	0	0.0484272
KCNS1	0	0	0	0	0.00857249
KCNQ2	0	0	0	0	0
CHODL	0	0	0	0	0.0143532
GRIK1-AS1	0	0	0	0.0382747	0
B3GALT5	0	0	0	0	0
IGSF5	0	0	0	0	0
ZNF295-AS1	0	0	0	0	0.0478321
ABCG1	0	0	0	0	0.0137146
COL6A2	0	0	0	0	0.0166878
ADAMTS5	0	0	0	0	0.00330379
CBS	0	0	0	0.0264558	0
DNMT3L	0	0	0	0	0
KRTAP10-1	0	0	0	0.102526	0
KRTAP10-2	0	0	0	0.0867236	0
FTCD	0	0	0	0	0.0310027
UPB1	0	0	0	0	0.0164462
CRYBA4	0	0	0	0	0.066912
SLC5A1	0	0	0	0	0.0129977
CSF2RB	0	0	0	0.0104282	0
MGAT3	0	0	0	0	0.00885834
WBP2NL	0	0	0	0	0.0132352
ANKRD62P1-PARP4P3	0	0	0	0.0230548	0
TUBA3FP	0	0	0	0.026401	0
GSTTP1	0	0	0	0	0.0528176
LOC100128531	0	0	0	0	0.0464304
SYN3	0	0	0	0	0
A4GALT	0	0	0	0	0.0251659
MLC1	0	0	0	0	0.0120609
MLH1	0	0	0	0.0168541	0
MOBP	0	0	0	0.013676	0.00957984
ZNF662	0	0	0	0	0.00552749
FAM198A	0	0	0	0.0146151	0.0112934
CCR5	0	0	0	0.0107787	0
CCDC36	0	0	0	0	0.0111386
SLC38A3	0	0	0	0.0227378	0

GPR62	0	0	0	0	0.0526927
ITIH1	0	0	0	0	0.014904
TMEM30C	0	0	0	0	0
CCDC54	0	0	0	0.0267591	0
SIDT1	0	0	0	0.00928208	0
NR1I2	0	0	0	0	0.0135926
ARGFX	0	0	0	0	0.00596579
FBXO40	0	0	0	0	0.00533277
CCDC37	0	0	0	0.0250852	0
TRH	0	0	0	0.0336821	0
ALG1L2	0	0	0	0	0.137545
C3orf79	0	0	0	0	0
C3orf80	0	0	0	0	0.0175625
ARL14	0	0	0	0	0
EPHB3	0	0	0	0.0150435	0
FETUB	0	0	0	0	0.023153
LOC100507391	0	0	0	0	0.00894371
FANCD2OS	0	0	0	0.0516033	0
DAZL	0	0	0	0.0115303	0
XIRP1	0	0	0	0	0.00592313
XCR1	0	0	0	0.0544438	0
PRSS50	0	0	0	0	0
SPINK8	0	0	0	0.138357	0
IQCF1	0	0	0	0.0834038	0
ERC2	0	0	0	0.00580862	0
CADPS	0	0	0	0.00833844	0
IGSF11	0	0	0	0	0.0187428
DNAJB8	0	0	0	0	0.0172335
GATA2	0	0	0	0	0.0144957
SNORA7B	0	0	0	4.39345	3.7186
SNORA58	0	0	0	0	0
PLSCR2	0	0	0	0.0236227	0
GPR87	0	0	0	0.026719	0
SERPINI2	0	0	0	0	0.0174121
KLHL6	0	0	0	0.00632905	0
LIPH	0	0	0	0	0.0243498
ATP13A5	0	0	0	0	0.00820962
LOC100131551	0	0	0	0.0152925	0
ZDHHC19	0	0	0	0	0
SORCS2	0	0	0	0	0
C4orf19	0	0	0	0	0
RHOH	0	0	0	0	0
STAP1	0	0	0	0	0.0180819
ENAM	0	0	0	0	0.00506695
NPFFR2	0	0	0	0.0214767	0
ALB	0	0	0	0	0
CXCL13	0	0	0	0	0
ANXA3	0	0	0	0	0.019383
LOC100505702	0	0	0	0.0088186	0
LOC100506035	0	0	0	0	0
MYOZ2	0	0	0	0	0
ADAD1	0	0	0	0	0.0155886
POU4F2	0	0	0	0	0.0145338
LRAT	0	0	0	0	0
FAM92A1P2	0	0	0	0.0154046	0.0255918
STOX2	0	0	0	0.0119133	0
TRIML1	0	0	0	0	0
ZNF518B	0	0	0	0	0
TLR10	0	0	0	0	0
GABRG1	0	0	0	0.00963686	0
UGT2A1,UGT2A2	0	0	0	0	0.0116807
SLC10A6	0	0	0	0.0301791	0
COL25A1	0	0	0	0.0173795	0.00626327
SPOCK3	0	0	0	0	0
CLDN24	0	0	0	0.0781736	0.127024
LOC731424	0	0	0	0	0.00963151
TTC23L	0	0	0	0	0.0223258
GHR	0	0	0	0	0.00674782
DDX4	0	0	0	0	0.0125313
C5orf64	0	0	0	0.0122224	0
CKMT2	0	0	0	0.0324104	0
LOC728342	0	0	0	0	0.00992842
FAM170A	0	0	0	0	0
GRAMD3	0	0	0	0.0143884	0
C5orf48	0	0	0	0	0.105427
SLC25A48	0	0	0	0	0
LOC100505658	0	0	0	0.0135409	0.0113305
MIR143,MIR143HG,MIR145	0	0	0	0.00450213	0.00704521
SLC6A7	0	0	0	0.0156018	0

SGCD	0	0	0	0.00356574	0
TENM2	0	0	0	0	0
SLC6A3	0	0	0	0.0302597	0
LOC442132	0	0	0	0	0
CDC20B	0	0	0	0.0308971	0.0124428
PLK2	0	0	0	0.0141449	0.0113308
OTP	0	0	0	0.028748	0
MEF2C	0	0	0	0	0
PCSK1	0	0	0	0.00736111	0.00603314
MGC32805	0	0	0	0.0290981	0
FSTL4	0	0	0	0.00856806	0
LOC389332	0	0	0	0.066836	0.0479184
ECSCR	0	0	0	0.0671846	0.0525342
NR3C1	0	0	0	0.00874944	0
EBF1	0	0	0	0	0
GMCL1P1	0	0	0	0.0126774	0
FOXC1	0	0	0	0	0.0138661
C6orf201	0	0	0	0	0.0215091
HULC	0	0	0	0	0.241587
TRIM40	0	0	0	0	0
C6orf25	0	0	0	0.0493689	0.0393813
GUCA1A	0	0	0	0	0.0210944
GPR115	0	0	0	0.023886	0
FAM83B	0	0	0	0	0
NKAIN2	0	0	0	0.0113374	0
ARG1	0	0	0	0	0.0409618
QKI	0	0	0	0.00384895	0
SMOC2	0	0	0	0.0161396	0.0125365
MYLK4	0	0	0	0.0139189	0
CAGE1	0	0	0	0	0.00959368
LINC00518	0	0	0	0.0119753	0.0101894
FAM65B	0	0	0	0	0.00553234
HIST1H3I	0	0	0	0	0.190322
SNORD117	0	0	0	0	0
HLA-DPA1	0	0	0	0.0248046	0
DLK2	0	0	0	0	0.0342601
IL17F	0	0	0	0	0
GCM1	0	0	0	0.0462839	0
LGSN	0	0	0	0	0.00538782
LINC00472	0	0	0	0	0
COL12A1	0	0	0	0	0.00747712
SRSF12	0	0	0	0	0.00883106
BACH2	0	0	0	0	0
OR2A4	0	0	0	0	0.0482188
MOXD1	0	0	0	0.0126302	0
IPCEF1	0	0	0	0.00524606	0
LPA	0	0	0	0.0193042	0.00487869
CYP2W1	0	0	0	0	0.0580259
TFAMP1	0	0	0	0	0.0150412
LOC100506497	0	0	0	0.00878491	0
ABCA13	0	0	0	0	0
PMS2L2	0	0	0	0.0878449	0
MAGI2-AS3	0	0	0	0.00404511	0
GRM3	0	0	0	0	0.00840723
RUNDC3B	0	0	0	0.00945811	0.0161317
LMOD2	0	0	0	0	0.0138498
FSCN3	0	0	0	0.0272815	0.0206327
LOC407835	0	0	0	0.0888802	0
CPA2	0	0	0	0	0
RAB19	0	0	0	0	0.0419163
OR2A1	0	0	0	0	0.0552526
CNTNAP2	0	0	0	0	0
CRHR2	0	0	0	0.0201144	0
DPY19L2P1	0	0	0	0.0130676	0
INHBA	0	0	0	0	0.0150049
NUPR1L	0	0	0	0.175129	0
NCF1C	0	0	0	0	0.0387325
GATSL2	0	0	0	0.0669386	0
PMS2L2	0	0	0	0.0878449	0
CCL26	0	0	0	0	0.0855305
CALCR	0	0	0	0	0
CYP3A4	0	0	0	0.0125877	0
RELN	0	0	0	0	0
OR2A1	0	0	0	0.072081	0
LOC157273	0	0	0	0	0.0175469
SFTPC	0	0	0	0	0.0441328
PIWIL2	0	0	0	0	0
SOX17	0	0	0	0	0.0240279
LOC286184	0	0	0	0.00955411	0

ATP6V0D2	0	0	0	0	0.0275214
SDC2	0	0	0	0	0
FAM150A	0	0	0	0	0
LOC286186	0	0	0	0.0155782	0
FABP12	0	0	0	0.13098	0.105109
CDH17	0	0	0	0	0
NCALD	0	0	0	0	0
CSMD3	0	0	0	0	0.00657208
CCDC166	0	0	0	0	0.0831085
MIR1234	0	0	0	0	168.138
GLIS3-AS1	0	0	0	0.0789317	0
TEK	0	0	0	0	0.00602954
ANKRD18B	0	0	0	0	0.00727103
FAM189A2	0	0	0	0	0.0186866
MAMDC2	0	0	0	0	0.00909201
OR1Q1	0	0	0	0	0.0424902
GPR21	0	0	0	0.0316841	0
TTC16	0	0	0	0.0194427	0.0141738
ADAMTSL2	0	0	0	0.0172722	0.0124006
LOC100128593	0	0	0	0	0.037392
FLJ35024	0	0	0	0	0
C9orf92	0	0	0	0.173127	0
LOC653501.ZNF658B	0	0	0	0	0.00606094
TMEM252	0	0	0	0	0.0297128
TRPM3	0	0	0	0	0
GNA14	0	0	0	0.0180253	0
RASEF	0	0	0	0	0.00557138
OMD	0	0	0	0	0.0110699
BARX1	0	0	0	0.0808988	0
FAM22F	0	0	0	0.0237245	0.017343
MIR3911	0	0	0	0	28.1269
LOC100288814	0	0	0	0	0.149468
TLR7	0	0	0	0	0.00596299
GRPR	0	0	0	0.0156955	0.0127408
MAGEB10	0	0	0	0.0193104	0
NYX	0	0	0	0	0
GPR173	0	0	0	0.0108777	0.00836156
SNORA11	0	0	0	5.39454	0
OTUD6A	0	0	0	0.0409302	0
PCDH11X	0	0	0	0	0.00621878
FAM133A	0	0	0	0	0.00903261
TMEM35	0	0	0	0.020402	0
TCEAL2	0	0	0	0	0.026223
PIH1D3	0	0	0	0	0.018433
ZCCHC16	0	0	0	0.013338	0
SH2D1A	0	0	0	0	0
FMR1NB	0	0	0	0.0500498	0
MAGEA8	0	0	0	0	0.0197039
MAGEA4	0	0	0	0.0544389	0
OPN1LW	0	0	0	0	0
VCX3A	0	0	0	0	0.0418738
BEND2	0	0	0	0.00834895	0
LOC729609	0	0	0	0.0714286	0
MIR221	0	0	0	0	34.5676
RGAG4	0	0	0	0	0.0168097
NAP1L2	0	0	0	0.0143406	0
RPS6KA6	0	0	0	0.00396303	0.00343916
TCEAL5	0	0	0	0.0346651	0
COL4A6	0	0	0	0.00655597	0.00505056
TRPC5	0	0	0	0.00694319	0
SNORA69	0	0	0	0	5.90911
IGSF1	0	0	0	0	0
SPANXE	0	0	0	0	0
MAGEA10.MAGEA10-MAGEA5.M	0	0	0	0.0148838	0.0120532
MPP1	0	0	0	0	0.0353551
RAB39B	0	0	0	0.0102521	0.0167721
UTY	0	0	0	0.00571432	0
RBP7	0.0444726	0.0606563	0	0	0
PADI4	0.013565	0	0	0	0
VWA5B1	0.00768984	0	0	0	0
CD52	0	0.109562	0	0	0
THEMIS2	0.0187499	0.0256008	0.0227139	0	0
GJB5	0	0	0.0309895	0	0
SNORD46	22.0637	0	0	0	0
BSND	0	0	0.0300471	0	0
PCSK9	0	0.0144624	0	0	0
IFI44	0.0121662	0	0	0	0
CLCA1	0.00674116	0	0	0	0
SRG7	0	0	0.0913443	0	0

SLC6A17	0.00479567	0	0.00588779	0	0
CHIAP2	0.007704	0	0	0	0
HSD3B2	0	0.021266	0	0	0
LCE1D	0.138954	0	0	0	0
LENEP	0	0.0761994	0	0	0
DCST1	0.0330117	0.0221143	0	0	0
SLAMF8	0.00758049	0	0	0	0
FCGR2C	0	0	0.012145	0	0
FCRLA	0	0	0.0181014	0	0
FAM163A	0	0	0.0143522	0	0
CFHR1	0.0158496	0	0	0	0
PTPRC	0	0.0251787	0	0	0
GPR25	0	0	0.0986611	0	0
PKP1	0	0	0.00659319	0	0
LOC641515	0.0274288	0	0	0	0
LAX1	0.00745519	0	0	0	0
CNTN2	0.00374486	0	0	0	0
IL19	0	0	0.0310619	0	0
LINC00538	0.0123954	0	0	0	0
FAM177B	0	0	0.0201275	0	0
MIXL1	0	0.132	0	0	0
C1orf95	0	0	0.00460804	0	0
SLC35F3	0	0	0.0240922	0	0
LOC100506810	0	0.0179881	0	0	0
SDCCAG8	0	0.01135	0	0	0
TP73-AS1	0	0.0275399	0	0	0
NPPB	0.138039	0	0	0	0
MYOM3	0	0.00671084	0	0	0
C1orf172	0.0204911	0	0	0	0
HEYL	0	0.010096	0	0	0
EDN2	0.0339284	0	0.0402867	0	0
C1orf210	0	0.0677971	0	0	0
TAL1	0.00579749	0	0	0	0
SLC1A7	0.0140758	0	0	0	0
CDCP2	0.0164604	0	0	0	0
LINC00466	0.0137039	0	0	0	0
INSL5	0.0397353	0	0	0	0
PTGER3	0.0172681	0.0331434	0	0	0
GBP1	0.027422	0.0386532	0.0340827	0	0
C1orf194	0	0	0.0469218	0	0
MYBPHL	0.0234432	0	0	0	0
LRIF1	0	0	0.0155468	0	0
ADORA3	0	0	0.014879	0	0
VTCN1	0.00997281	0	0	0	0
GJA5	0	0	0.0100442	0	0
S100A5	0	0	0.0500288	0	0
KCNN3	0.00362857	0	0	0	0
C1orf61	0	0	0.0457644	0	0
SCARNA3	0	2.48178	6.55243	0	0
SEC16B	0.00657437	0	0	0	0
NPHS2	0.0331108	0	0	0	0
TEDDM1	0	0	0.0271901	0	0
B3GALT2	0.0166488	0.016608	0.00712309	0	0
GOLT1A	0	0.0611247	0	0	0
LOC284578	0	0.0146173	0	0	0
MIR29C	0	0	106.854	0	0
CD34	0.0111329	0	0	0	0
LOC100506795	0.0083474	0	0	0	0
MRC1	0	0	0.00511289	0	0
LINC00839	0	0	0.0144642	0	0
RET	0	0.00751519	0	0	0
FXD4	0	0.0899151	0	0	0
CTSL1P2	0.0246478	0	0.0303795	0	0
WDFY4	0	0	0.00347485	0	0
MSMB	0.102097	0	0	0	0
FAM133CP	0	0.0122873	0	0	0
SH2D4B	0.00659295	0	0	0	0
MARK2P9	0.0834164	0.115812	0	0	0
CYP2C19	0.0166139	0	0	0	0
ADRA2A	0	0.01705	0.015125	0	0
HABP2	0.0169303	0	0	0	0
PNLIPRP2	0	0	0.0220108	0	0
PRAP1	0.0543087	0	0.0645247	0	0
LINC00704	0.0171378	0	0	0	0
SFMBT2	0.00323109	0	0	0	0
CCDC3	0.0238319	0.0494525	0	0	0
NEBL	0.00301917	0	0	0	0
ARMC4	0	0	0.00745513	0	0
RASGEF1A	0.00887583	0	0	0	0

HNRNPA3P1	0.0189583	0.00942885	0.00812849	0	0
HNRNPA1P33	0	0.0782716	0	0	0
GDF2	0	0.0209821	0	0	0
VSTM4	0.0111107	0.0104794	0.00463168	0	0
PLA2G12B	0.0271017	0	0	0	0
DUSP13	0.0448503	0.060165	0	0	0
SFTPA2	0.0122634	0	0	0	0
DYDC1	0.033865	0	0	0	0
FAS-AS1	0.0151728	0.044986	0.0387146	0	0
BLNK	0.0175686	0	0.0257819	0	0
CPN1	0.0185809	0.0254034	0	0	0
AFAP1L2	0	0	0.00840958	0	0
GFRA1	0	0	0.00332113	0	0
KRTAP5-6	0	0.120025	0	0	0
KCNQ1DN	0	0.0491662	0	0	0
TRPC2	0	0.0398499	0	0	0
OR52I1	0	0	0.0383809	0	0
OR52B6	0.0359125	0	0	0	0
OR56B4	0	0	0.0389644	0	0
OR2D3	0.0306911	0	0	0	0
SYT9	0.0122286	0	0	0	0
F2	0.016804	0	0	0	0
OR10V2P	0	0.0680228	0.0594123	0	0
MS4A10	0.013573	0	0	0	0
ZP1	0.0343305	0	0	0	0
CD6	0.0124779	0	0	0	0
KCNK4	0.134918	0	0.0400202	0	0
SNX32	0	0	0.0259385	0	0
CTSW	0.0250619	0.0332528	0	0	0
TMEM151A	0.0222596	0.0585526	0	0	0
C11orf86	0.0337515	0	0.0406084	0	0
KRTAP5-7	0.0434752	0.0598414	0	0	0
LOC100129216	0	0	0.577415	0	0
P2RY6	0	0.0408009	0	0	0
C11orf70	0	0	0.0147328	0	0
ELMOD1	0.00843673	0	0.0106797	0	0
NNMT	0	0	0.0236792	0	0
CD3G	0	0	0.0237834	0	0
TTC36	0.0909583	0	0	0	0
UPK2	0	0.120728	0	0	0
DDX25	0	0.0187967	0	0	0
NTM	0	0.0117483	0	0	0
LOC100128239	0.0127394	0	0	0	0
IFITM5	0	0.0887358	0	0	0
KRTAP5-2	0.0351073	0	0	0	0
HBD	0.0361049	0	0	0	0
UBQLNL	0.0326478	0	0	0	0
OR2AG2	0	0.0448145	0	0	0
OR6A2	0	0	0.025795	0	0
LOC283299	0.00911852	0	0	0	0
USH1C	0.149511	0.0723534	0.114361	0	0
PTPN5	0.0231185	0	0	0	0
SYT13	0.00483695	0.013832	0.00604967	0	0
SNORD29	0	1280.56	0	0	0
LOC100130348	0	0.143859	0	0	0
ANGPTL5	0	0.0360385	0	0	0
CASP5	0.0333051	0.0460106	0	0	0
SCN2B	0	0.00775715	0.0068919	0	0
AMICA1	0	0	0.0147079	0	0
TREH	0	0.0226926	0	0	0
THY1	0	0	0.0166957	0	0
CLMP	0.00959485	0.0135507	0	0	0
PATE2	0.0140086	0	0	0	0
KIRREL3	0.0436567	0	0	0	0
ADAMTS8	0	0	0.0127843	0	0
CLEC4D	0	0.0324141	0.0138062	0	0
A2ML1	0.00633967	0.00890326	0	0	0
C12orf39	0.0667377	0	0.241215	0	0
PCED1B	0.0174885	0	0	0	0
OR8S1	0	0.0426837	0	0	0
LOC255411	0	0	0.0712188	0	0
ACVRL1	0.0303204	0	0.0277229	0	0
LOC100240734	0.082784	0	0	0	0
IRAK3	0.00263644	0.00389901	0.00672795	0	0
LOC100507206	0	0.0143201	0	0	0
CACNA2D4	0.0103927	0	0	0	0
CLECL1	0.014888	0	0	0	0
CLEC7A	0.010132	0	0	0	0
KLRC2	0	0	0.0259454	0	0

TAS2R30	0.027151	0	0	0	0
BCAT1	0.00212645	0	0	0	0
LALBA	0	0.106402	0	0	0
SNORA2A	0	3.81039	0	0	0
SNORA2B	0	7.44124	0	0	0
WNT10B	0.0316429	0	0.0193817	0	0
FAIM2	0	0	0.008572	0	0
LOC283403	0.0429051	0	0.0265265	0	0
KRT83	0.0204575	0.0531466	0.0242605	0	0
KRT85	0.0151098	0	0	0	0
KRT4	0.0268887	0	0	0	0
GPR84	0	0.0293117	0	0	0
APOF	0.0146817	0	0	0	0
SVOP	0	0	0.0107353	0	0
SDS	0.0220897	0	0	0	0
HNF1A-AS1	0.0107317	0	0.0134633	0	0
GALNT9	0.0224225	0.0587822	0	0	0
SGCG	0.0160581	0	0	0	0
WASF3	0.00542782	0	0.00685064	0	0
RXFP2	0.00875633	0	0	0	0
FREM2	0	0.00195828	0	0	0
OR7E156P	0.0133022	0.0186733	0	0	0
POU4F1-AS1	0.0107422	0	0	0	0
GPC5	0	0.0238763	0	0	0
MYO16	0.00386812	0	0.00481228	0	0
COL4A2	0.00527596	0	0.00626772	0	0
F7	0.010057	0	0	0	0
ANKRD20A19P	0.0116374	0	0	0	0
LINC00426	0	0	0.022095	0	0
LINC00330	0.0113198	0	0	0	0
SIAH3	0	0.00983545	0	0	0
PCDH8	0	0.0193134	0	0	0
COL4A1	0	0	0.00511493	0	0
OR11H4	0.0287559	0	0	0	0
ECRP	0	0.0706105	0	0	0
NPAS3	0	0	0.00602087	0	0
INSM2	0.013457	0	0	0	0
DACT1	0.0172599	0.0123534	0	0	0
PRKCH	0.00721674	0.0101586	0	0	0
LINC00238	0	0	0.0258662	0	0
RDH12	0	0.0231829	0.0412045	0	0
GALNT16	0.0321453	0.0288817	0.0129968	0	0
NRXN3	0.00272617	0.00402802	0	0	0
LOC283587	0	0.0460556	0	0	0
FOXN3-AS2	0.0225205	0	0	0	0
CHGA	0	0	0.0229137	0	0
SERPINA3	0.0168886	0	0	0	0
PLD4	0.0244199	0	0	0	0
OR11H2	0	0.0379977	0	0	0
KLHL33	0.0183813	0	0	0	0
RNASE11,RNASE12	0	0.01747	0	0	0
SNORD9	22.01	0	0	0	0
ADCY4	0.010659	0	0	0	0
TRIM9	0	0	0.00709301	0	0
TBPL2	0.0198952	0	0	0	0
SIX1	0.020865	0	0	0	0
SLC10A1	0.0662894	0.0232033	0.0205233	0	0
DIO2	0.00339389	0	0.00435828	0	0
LINC00341	0.00912712	0	0	0	0
GOLGA8EP	0.00409577	0.00590339	0	0	0
DKFZP434L187	0	0	0.00647717	0	0
ATPBD4-AS1	0.034562	0	0	0	0
DCAF13P3	0.00752657	0	0	0	0
NR2E3	0.0333569	0.0229945	0.040961	0	0
LOC729739	0	0.0988169	0.08538	0	0
LMAN1L	0	0	0.0276674	0	0
ISL2	0	0.0417092	0	0	0
C15orf26	0.0150551	0	0.0189261	0	0
UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	0.0213438	0	0	0	0
ASB9P1	0	0.0219167	0	0	0
LOC145820	0	0.0139707	0	0	0
NBEAP1	0.0788569	0	0	0	0
GOLGA8DP	0.00403952	0	0	0	0
OCA2	0	0	0.0116824	0	0
ACTC1	0.00637182	0	0	0	0
GPR176	0.00679803	0	0	0	0
PLA2G4D	0.00920332	0	0.0111674	0	0
DUOXA1	0.03563	0.0164651	0.0440743	0	0
TNFAIP8L3	0	0.0159876	0	0	0

ONECUT1	0	0.0236017	0	0	0
IGDCC3	0	0	0.00910036	0	0
ITGA11	0	0	0.00704354	0	0
LOC91948	0	0.035377	0	0	0
HBZ	0.120242	0	0	0	0
C16orf11	0	0	0.0314916	0	0
NHLRC4	0.0377274	0.025154	0	0	0
C16orf96	0.00862878	0	0	0	0
SEC14L5	0	0	0.0056399	0	0
CIITA	0.0079238	0	0	0	0
TNFRSF17	0.0306263	0	0	0	0
PRKCB	0.00279876	0	0	0	0
ITGAL	0.0114313	0	0	0	0
MIR762	0	0	222.59	0	0
ITGAD	0.0073747	0.0099923	0	0	0
GNAO1	0.0221087	0.0308192	0	0	0
CCL22	0.0198586	0	0	0	0
VAT1L	0.00637933	0	0	0	0
RPL3L	0.0262179	0	0	0	0
PRSS33	0	0.0350603	0	0	0
PRSS30P	0	0.0155451	0.0140496	0	0
SEPT12	0.0241749	0	0	0	0
C16orf89	0	0	0.0267505	0	0
C16orf54	0	0.016749	0	0	0
ZNF423	0.00749477	0	0	0	0
SNX20	0.013171	0	0	0	0
LOC283867	0	0	0.0165856	0	0
PKD1L3	0	0	0.0168562	0	0
ATP1B2	0.0310401	0	0	0	0
DNAH9	0	0	0.0101285	0	0
MEIS3P1	0.00852227	0	0	0	0
FAM106CP	0	0	0.0178368	0	0
CRYBA1	0	0.0503545	0.0887366	0	0
DPRXP4	0	0	0.0508732	0	0
SPACA3	0	0.122186	0	0	0
UNC45B	0	0.00594152	0	0	0
G6PC	0	0	0.00792279	0	0
MYL4	0	0.0541669	0.0492206	0	0
NGFR	0.0106703	0	0	0	0
NXP3	0	0	0.00681365	0	0
TCAM1P	0.00766164	0	0.00953974	0	0
CACNG4	0.0103461	0	0	0	0
CACNG1	0.0659583	0	0	0	0
CD300A	0.0191999	0	0	0	0
ITGB4	0	0.0177524	0	0	0
ATP2A3	0.010174	0.0133944	0	0	0
SLC52A1	0.0152314	0	0	0	0
SLC13A5	0.00963507	0	0.0117669	0	0
TEKT1	0	0.0240646	0	0	0
CCDC42	0	0	0.0314939	0	0
GAS7	0.00339952	0.00478507	0	0	0
MYH1	0	0	0.00440608	0	0
ZNF287	0.0091413	0	0.0115623	0	0
EV12A	0.00687588	0.0207306	0.00886372	0	0
TBC1D3B	0.0159588	0	0	0	0
TBC1D3C	0.0158976	0	0	0	0
KRTAP2-2	0.0908136	0	0.215036	0	0
KRTAP4-11	0.033349	0	0	0	0
KRTAP4-5	0.0523095	0	0	0	0
HCRT	0.353454	0	0	0	0
MEOX1	0	0.0176404	0	0	0
PPY	0	0	0.120989	0	0
PYY	0.0799266	0.054064	0.14527	0	0
HSF5	0	0	0.00744819	0	0
NACA2	0	0.0455349	0	0	0
MIR5047	0	37.1742	0	0	0
CD300E	0	0	0.00809123	0	0
FLJ45079	0	0	0.00733302	0	0
AQP4-AS1	0.0103607	0	0	0	0
WBP11P1	0.00777722	0	0	0	0
SLC14A2	0.00784298	0	0.028855	0	0
SLC14A1	0.00559759	0	0	0	0
RAB27B	0	0.00422074	0	0	0
ZNF532	0.00368376	0	0	0	0
SERPINB2	0	0.0176286	0	0	0
CDH2	0	0.0077572	0	0	0
CELF4	0.00795963	0	0	0	0
SNORA37	0	12.7986	17.1818	0	0
LINC-ROR	0	0.0117248	0	0	0

ALPK2	0	0	0.00367419	0	0
CD226	0	0	0.0309672	0	0
AZU1	0	0	0.0749282	0	0
CLEC4M	0	0.0268864	0	0	0
MIR181D	0	7.46402	0	0	0
RLN3	0	0	0.13836	0	0
SLC5A5	0.0208401	0	0	0	0
FXVD3	0	0	0.0278891	0	0
HAMP	0	0	0.135855	0	0
FFAR2	0.0149128	0	0	0	0
UPK1A	0	0.0438887	0.0772509	0	0
OVOL3	0.0838108	0.111039	0.100088	0	0
NCCRP1	0.0195932	0	0	0	0
LOC100129935	0	0.0202528	0	0	0
CYP2S1	0.0132931	0	0	0	0
TEX101	0.0171708	0	0	0	0
APOC2,APOC4	0.0431495	0	0	0	0
CCDC155	0.0136618	0.054189	0	0	0
LOC100507003	0.0197234	0	0.0239062	0	0
SNORD35A	0	127.251	0	0	0
CACNG6	0.0562745	0.0386214	0.0338743	0	0
NLRP8	0.00622434	0	0	0	0
USP29	0.00559571	0.00800439	0	0	0
C19orf77	0.0358005	0	0	0	0
PTPRS	0	0	0.00688706	0	0
FUT6	0.0118481	0	0	0	0
MBD3L3	0.0554079	0	0	0	0
COL5A3	0.00560402	0	0	0	0
LYL1	0	0.0425419	0	0	0
SLC1A6	0	0	0.0127789	0	0
CIB3	0.0534044	0	0	0	0
CPAMD8	0	0	0.015016	0	0
NXNL1	0	0	0.072268	0	0
ZNF682	0	0	0.0157642	0	0
ZNF626	0.00960506	0	0	0	0
ZNF208	0.00198684	0	0.00507588	0	0
ATP4A	0.0109001	0	0	0	0
UPK1A-AS1	0	0	0.107386	0	0
PSG11	0.0211119	0	0	0	0
PSG4	0.0121703	0	0	0	0
CKM	0	0.0530552	0.0477866	0	0
IGFL4	0	0	0.161382	0	0
PNMAL1	0	0.0102085	0	0	0
MIR3191	329.477	0	0	0	0
NKG7	0.0540857	0	0	0	0
LIM2	0.0470268	0	0	0	0
SIGLEC5	0	0	0.0143855	0	0
LOC284379	0	0	0.0292382	0	0
PEG3,ZIM2	0.00251269	0	0	0	0
RPL23AP32	0.0486706	0	0	0	0
MEIS1	0	0.0325593	0	0	0
CTNNA2	0.00656182	0	0.008147	0	0
GNLY	0.047296	0	0	0	0
ITPR1PL1	0	0	0.0210124	0	0
IL1R1	0	0.0256206	0	0	0
GPR45	0	0.0331104	0	0	0
IL36G	0.0230324	0	0	0	0
RAB6C	0	0	0.010427	0	0
KYNU	0.0177154	0	0	0	0
PABPC1P2	0.00604211	0	0.00760703	0	0
KIF5C	0.00314515	0	0	0	0
KCNJ3	0	0.00702182	0	0	0
UPP2	0.0174621	0	0	0	0
DHRS9	0	0.0236284	0	0	0
KLHL41	0.00886656	0	0.0224283	0	0
HOXD13	0.0139594	0	0.0174812	0	0
FSIP2	0.000872567	0	0	0	0
AOX2P	0	0.00897365	0.00795683	0	0
CTLA4	0.0125261	0	0	0	0
SNORA41	0	0	4.90763	0	0
DES	0	0	0.0207429	0	0
COL4A3	0	0.00396587	0	0	0
CHRND	0.0112559	0.0307321	0.0274887	0	0
LOC643387	0	0	0.011672	0	0
PXDN	0.00933716	0	0	0	0
LOC645949	0	0.0146563	0.025289	0	0
CYP1B1	0.00479988	0	0	0	0
C2orf91	0.00600387	0	0	0	0
OXER1	0	0	0.030739	0	0

ABCG5	0	0	0.0131294	0	0
UNQ6975	0	0.0331907	0	0	0
TSPYL6	0.0170018	0	0	0	0
DBIL5P2	0	0.0183736	0	0	0
LOC400958	0.00771491	0	0	0	0
SNORA36C	3.52026	0	0	0	0
ADD2	0	0.00980163	0	0	0
TACR1	0	0	0.019493	0	0
LYG2	0	0.0488478	0	0	0
ST6GAL2	0.00344631	0	0.00440443	0	0
LOC729121	0.0143005	0	0	0	0
IL1A	0.0073835	0.0431907	0.0280911	0	0
LOC100216479	0.00852066	0	0.0213691	0	0
WTH3DI	0	0	0.00836772	0	0
LOC401010	0	0	0.0150187	0	0
LOC100144595	0.0096569	0	0	0	0
SCN3A	0	0.00335376	0	0	0
CFLAR-AS1	0.0482231	0	0	0	0
ERBB4	0.00166895	0	0	0	0
CXCR1	0.0110088	0	0	0	0
FEV	0.0395693	0.0525273	0	0	0
CCDC108	0	0	0.0062552	0	0
SCG2	0.0166284	0	0	0	0
LOC151475	0.0197581	0.0140691	0.0368807	0	0
SNORA75	0	4.84788	0	0	0
MIR4440	35.163	0	0	0	0
MGC16025	0	0	0.0195324	0	0
OTOS	0	0	0.203762	0	0
SNORD110	0	418.003	0	0	0
UBOX5-AS1	0.0464831	0	0	0	0
ISM1	0.0102874	0.0143344	0	0	0
PCSK2	0	0.0077695	0	0	0
SLC24A3	0.0073807	0	0	0	0
LBP	0.0160819	0	0	0	0
SNORA39	3.2944	0	3.90312	0	0
WISP2	0	0	0.038326	0	0
PI3	0	0	0.169941	0	0
WFDC10A	0.0721781	0.0999129	0	0	0
LOC100131496	0	0	0.0313227	0	0
CASS4	0.0925894	0.0250536	0.035062	0	0
APCDD1L-AS1	0.0152177	0.0207025	0	0	0
CDH26	0.0255859	0	0	0	0
LOC284757	0.0128551	0	0	0	0
LOC63930	0.0102313	0	0	0	0
LOC100144597	0	0.0391426	0	0	0
MYT1	0.00522865	0.00713239	0	0	0
RSP04	0.029094	0	0	0	0
FOX51	0.0363651	0	0	0	0
PXMP4	0	0.00656455	0.0115083	0	0
HMGB3P1	0.0297487	0	0	0	0
FAM83C	0.00967492	0	0	0	0
SNORA71B	0	4.19226	3.74334	0	0
JPH2	0.0215598	0.0113356	0.0160116	0	0
WFDC5	0.0772116	0.0523916	0	0	0
PTGIS	0.0101415	0	0	0	0
GCNT7	0	0	0.0151675	0	0
BMP7	0.00840953	0	0	0	0
LINC00029	0	0	0.024865	0	0
MIR3648	1.24511	0	0	0	0
ABCC13	0.00751323	0	0	0	0
LINC00189	0	0.0475975	0	0	0
MRAP	0	0.0806248	0	0	0
DSCR8	0.0591232	0	0	0	0
KCNJ15	0	0.0119346	0	0	0
LINC00158	0.0144373	0	0	0	0
KCNE1	0	0	0.00984906	0	0
RUNX1-IT1	0	0.0232345	0	0	0
LOC100133286	0.0835743	0.112259	0.100678	0	0
LINC00479	0.0295962	0	0	0	0
LINC00163	0	0.0252367	0	0	0
COL18A1-AS2	0	0.101631	0	0	0
SERPIND1	0.0116684	0	0	0	0
LOC400891	0.00482155	0	0	0	0
GGTLC2	0.0521829	0.138197	0	0	0
RFPL3	0	0.0337855	0	0	0
CYTH4	0.0103902	0	0	0	0
RIBC2	0.023778	0.0316765	0	0	0
ADM2	0.00858955	0.0114525	0	0	0
XKR3	0	0	0.0175083	0	0

MIR648	45.2292	0	0	0	0
LOC284865	0.0112453	0	0	0	0
ZNF280A	0.0109682	0.01554	0	0	0
POM121L1P	0.00801696	0	0.0193068	0	0
CES5AP1	0.0401787	0	0	0	0
GSTTP2	0.0136901	0	0	0	0
TMEM211	0	0	0.211062	0	0
C22orf24	0	0	0.060717	0	0
SHISA8	0	0.0947721	0	0	0
ATP5L2	0.0380339	0	0	0	0
C22orf34	0	0	0.0162353	0	0
IL17REL	0	0.0143303	0	0	0
LINC00312	0.00741394	0	0.0190264	0	0
SLC6A1	0	0	0.00833614	0	0
TPRXL	0	0	0.0181948	0	0
FGD5	0	0.0130964	0	0	0
ITIH3	0	0	0.0107041	0	0
FRG2C	0	0.0171533	0	0	0
EPHA3	0	0.0116409	0	0	0
PARP15	0.0110024	0	0	0	0
SLC35G2	0	0	0.0182772	0	0
ESYT3	0	0	0.00712671	0	0
LINC00578	0	0	0.0231318	0	0
AHSG	0	0.0522118	0	0	0
ADIPOQ	0.00525656	0	0	0	0
CLDN16	0	0	0.00945708	0	0
EGOT	0	0.0245585	0	0	0
BHLHE40-AS1	0.0278967	0	0	0	0
LMCD1-AS1	0	0	0.0145832	0	0
THRB	0.00305712	0	0	0	0
EPM2AIP1	0.0029671	0	0	0	0
CX3CR1	0	0.0112302	0	0	0
LARS2-AS1	0	0	0.0157128	0	0
DNASE1L3	0	0.037526	0	0	0
KY	0	0	0.00597887	0	0
A4GNT	0.0143806	0	0	0	0
PRR23A	0	0.0196808	0	0	0
PLSCR4	0	0.0114744	0	0	0
FAM194A	0.0116253	0	0	0	0
CLRN1	0	0.0272872	0	0	0
WDR49	0.00793631	0	0	0	0
SLC7A14	0.00209161	0.00305037	0	0	0
SPATA16	0.0102274	0	0	0	0
C3orf70	0.00409858	0	0.00517691	0	0
TPRG1-AS2	0	0	0.0877617	0	0
OPA1-AS1	0	0	0.0845636	0	0
LOC402160	0	0	0.0237925	0	0
NSG1	0.0114267	0	0.0142556	0	0
C4orf6	0.0629211	0	0	0	0
PCDH7	0.00648056	0	0	0	0
NSUN7	0.00655406	0	0	0	0
C4orf40	0	0.0068659	0	0	0
EREG	0.00435814	0.00666983	0	0	0
SPP1	0	0	0.0175627	0	0
SLC25A31	0.0141338	0.021407	0	0	0
HHIP	0.00672403	0	0	0	0
C4orf51	0.0330997	0	0	0	0
PRSS48	0.0248206	0	0.0615622	0	0
LOC100505989	0	0.010527	0	0	0
TRIM60	0.0108848	0	0	0	0
ZFP42	0	0.013788	0	0	0
MIR548I2	4.30088	0	0	0	0
LOC344967	0.0243146	0	0	0	0
BEND4	0	0.0039981	0	0	0
YIPF7	0.0324262	0	0	0	0
COX7B2	0	0.191107	0	0	0
IGFBP7	0	0.0928568	0	0	0
TMPRSS11D	0	0	0.00928608	0	0
IGJ	0.0325203	0	0	0	0
SOWAHB	0	0	0.0144004	0	0
SPARCL1	0	0.00921493	0	0	0
STPG2	0	0.0202838	0.0176398	0	0
PCNAP1	0.0210462	0	0	0	0
NEUROG2	0	0.0246668	0	0	0
FAM198B	0	0	0.00644482	0	0
FSTL5	0	0	0.00519517	0	0
TRIM61	0	0.0228256	0	0	0
LOC100506085	0.00481922	0	0	0	0
HPGD	0	0	0.0104368	0	0

LOC728175	0	0.0181363	0.0157714	0	0
FRG2	0	0.0170701	0	0	0
ROPN1L	0.0430727	0.0585942	0.0522861	0	0
OSMR	0.0039483	0	0	0	0
NIM1	0.00956806	0	0.0233811	0	0
FST	0.0167594	0.0467951	0	0	0
PART1	0.0112666	0	0	0	0
PMCHL2	0.0361619	0	0.0154975	0	0
NCRUPAR	0.100317	0	0	0	0
SNORA13	0	4.47326	0	0	0
MIR3661	44.6853	0	0	0	0
AFAP1L1	0	0	0.00780078	0	0
IRGM	0	0.0236805	0	0	0
GRIA1	0.00438289	0	0	0	0
EFCAB9	0	0.05847	0.0505951	0	0
HMP19	0	0.0316049	0	0	0
HRH2	0.0093256	0	0	0	0
LOC100132062,LOC100133331	0.0104974	0	0	0	0
IRX4	0.0311804	0	0	0	0
LOC729506	0.0150784	0	0	0	0
UGT3A1	0	0	0.011221	0	0
RANBP3L	0.00773029	0	0.0298164	0	0
PLCXD3	0.00249677	0	0	0	0
SEPP1	0	0.0152356	0	0	0
LOC100652772	0	0.00998927	0.00867585	0	0
LOC647859	0	0	0.0538801	0	0
SNORA47	2.41778	9.65668	0	0	0
ACOT12	0	0.0173055	0	0	0
LINC00461,MIR9-2	0.00690656	0	0	0	0
POU5F2	0.110194	0	0.0996383	0	0
LOC100133050	0	0	0.0692	0	0
C5orf63	0	0.0048545	0	0	0
LOC340074	0	0	0.0155451	0	0
VTRNA2-1	50.4693	0	0	0	0
KLHL3	0	0	0.00886174	0	0
MZB1	0	0.053909	0.0485406	0	0
NRG2	0	0	0.0151089	0	0
CD14	0.0542222	0.195185	0	0	0
FNDC9	0	0.016594	0.0435666	0	0
PFN3	0	0.437399	0	0	0
BMP6	0.00917402	0	0	0	0
ELOVL2-AS1	0	0.0213528	0	0	0
HIST1H3A	0.137428	0.552588	0.498613	0	0
TRIM15	0.0351409	0.0233671	0.0210499	0	0
TNF	0.0187412	0.0257939	0	0	0
CFB	0.00952248	0.0130125	0	0	0
TSPO2	0	0	0.0526328	0	0
SPATS1	0.0255703	0	0	0	0
KCNQ5	0	0	0.00470157	0	0
FAM26F	0.0625816	0.271236	0	0	0
FAM26E	0	0.0187356	0	0	0
GJA1	0	0.0208128	0.0089859	0	0
FABP7	0	0	0.0316117	0	0
SMLR1	0	0.0126731	0.0109624	0	0
SLC35D3	0	0	0.0531775	0	0
PLEKHG1	0	0.00936196	0.00410474	0	0
VIP	0	0	0.0172747	0	0
SLC22A3	0	0	0.0204845	0	0
LOC100507194	0	0.0250205	0	0	0
FAM217A	0.0105195	0	0	0	0
GCM2	0.0102072	0	0	0	0
HIST1H1B	0.0668845	0	0.0800442	0	0
HIST1H3J	0	0	0.164217	0	0
PSORS1C3	0	0.0894418	0	0	0
NCR3	0.0977197	0.0592551	0.0422274	0	0
CLPS	0	0	0.130477	0	0
PRPH2	0.0359655	0.0249392	0.0220937	0	0
CLIC5	0.00419379	0	0	0	0
GPR110	0	0	0.0219894	0	0
ELOVL5	0.00793673	0	0	0	0
IMPG1	0.00670733	0	0	0	0
SNORD50A	0	350.966	0	0	0
GJB7	0	0.0293078	0	0	0
GABRR2	0	0.018931	0.0167881	0	0
METTL24	0.0325646	0	0	0	0
NMBR	0	0.0363608	0	0	0
LOC729176	0.00965514	0	0	0	0
PRR18	0	0.0244274	0	0	0
ABCB5	0.0100483	0.00733053	0	0	0

LOC100506178	0	0	0.0115282	0	0
ADCY1	0.00228032	0	0	0	0
LINC00525	0.0237295	0	0	0	0
CDC14C	0	0.0108486	0	0	0
SNORA15	0	4.60671	0	0	0
NCF1B	0.0280652	0	0	0	0
WBCSCR28	0	0.0566272	0.101414	0	0
MIR590	0	43.6978	0	0	0
CD36	0	0.0166124	0	0	0
AZGP1P1	0	0	0.0275527	0	0
MUC17	0.00159258	0	0	0	0
COL26A1	0.0130191	0.0171801	0	0	0
FOXP2	0.00342815	0	0	0	0
CFTR	0	0.00493316	0	0	0
ASB15	0	0	0.010808	0	0
FAM71F1	0	0	0.0548184	0	0
C7orf45	0	0.0300338	0	0	0
TMEM213	0.0297761	0.01058	0	0	0
PRSS1	0.0390856	0	0	0	0
GIMAP2	0.0286307	0.0206487	0.108417	0	0
GIMAP1,GIMAP1-GIMAP5,GIMAF	0.0312396	0.0213699	0	0	0
ABP1	0	0	0.0178946	0	0
MMD2	0	0	0.0777039	0	0
ZNF890P	0.0380084	0.0255764	0	0	0
DGKB	0.00595993	0	0.00381284	0	0
SOSTDC1	0	0.0205825	0	0	0
KIAA0087	0	0.00721592	0	0	0
MIR196B	125.614	0	0	0	0
SNORA9	0	24.6699	0	0	0
SNORA5A	0	3.85109	0	0	0
SNORA5C	2.25985	3.08345	2.71878	0	0
SNORA5B	0	10.3671	0	0	0
TNS3	0	0	0.00467222	0	0
GTF2IRD2P1	0.00848646	0	0	0	0
LOC100093631	0	0.0101779	0.00888371	0	0
SGCE	0	0	0.0174635	0	0
TMEM130	0.0116225	0.0159193	0	0	0
CYP3A7,CYP3A7-CYP3AP1	0	0.0595897	0	0	0
OR2AE1	0.0333064	0	0.0413768	0	0
MIR25	138.026	0	0	0	0
ACTL6B	0	0	0.0269646	0	0
MYL10	0.0324602	0	0	0	0
SLC26A5	0.0552247	0	0	0	0
SLC26A4-AS1	0.00559363	0.00852413	0	0	0
SLC26A3	0	0.0238206	0	0	0
ASZ1	0	0.016662	0	0	0
OR6W1P	0	0.0286297	0	0	0
OR2A20P,OR2A9P	0	0.0545403	0	0	0
ATP6V0E2-AS1	0	0	0.026238	0	0
CRYGN	0.0610024	0	0	0	0
CNPY1	0.00979062	0.014816	0	0	0
VIPR2	0.00882611	0	0.010722	0	0
PRSS55	0.0267338	0	0	0	0
DEFB135	0	0.526595	0	0	0
SMIM18	0	0	0.041098	0	0
FAM110B	0	0.00931319	0	0	0
C8orf34	0.00981251	0	0	0	0
STMN2	0.0108684	0	0	0	0
BAALC	0	0.0124194	0	0	0
CTHRC1	0	0.0325893	0.0280598	0	0
RIMS2	0	0	0.0081538	0	0
TG	0.00332111	0	0.00406857	0	0
FAM203A	0.0190492	0	0	0	0
DEFA6	0.185753	0	0	0	0
DEFA5	0	0	0.123667	0	0
USP17L3	0.0181207	0	0	0	0
DEFB136	0	0	0.846018	0	0
DOK2	0	0.0325156	0	0	0
MIR320A	0	255.129	0	0	0
STMN4	0.0230387	0	0	0	0
SCARA5	0	0.00990236	0	0	0
PURG	0	0.0174767	0	0	0
ANK1	0.0111082	0.0056008	0	0	0
DKK4	0	0.0498474	0	0	0
PXDNL	0	0	0.00677769	0	0
ST18	0	0.00467608	0	0	0
PRDM14	0.0125018	0	0	0	0
DCAF4L2	0	0.00983026	0	0	0
GDF6	0	0	0.0105591	0	0

C8orf56	0.0866787	0.117869	0	0	0
LOC100499183	0	0.101705	0.0598641	0	0
SNTB1	0.00957199	0.00710496	0	0	0
KLHL38	0.0169867	0.022988	0.0205931	0	0
LYNX1	0	0	0.10675	0	0
DDX11L5	0.0181021	0	0	0	0
IFNA8	0	0.0354213	0	0	0
FLJ35282	0.00914972	0	0	0	0
KIAA1045	0.00947478	0	0.00584218	0	0
HRCT1	0	0.108069	0	0	0
FAM27C	0.056062	0	0.0672405	0	0
LOC100133920	0.013137	0	0	0	0
PGM5	0.0158944	0.0111979	0.00986242	0	0
GDA	0	0.0167883	0	0	0
NTRK2	0	0.0160423	0.00695104	0	0
C9orf47,S1PR3	0	0.0090627	0	0	0
ACTL7A	0	0	0.0279277	0	0
ORM2	0	0	0.0470169	0	0
OR1L6	0	0.051025	0	0	0
GFI1B	0	0	0.0265346	0	0
LOC100130954	0	0.0172347	0	0	0
RNF224	0.0570504	0	0	0	0
CACNA1B	0	0.00914524	0.00815871	0	0
TUBBP5	0.0108228	0.0594479	0.0263393	0	0
FLJ41200	0	0.0139375	0	0	0
FAM154A	0	0.0209446	0	0	0
SLC24A2	0.00390925	0.00286113	0	0	0
IFNA17	0	0	0.0331489	0	0
CNTFR	0	0.0270728	0.0263682	0	0
IGFBPL1	0.00786781	0	0	0	0
LOC286297	0	0.0147927	0	0	0
BANCR	0.0424128	0	0	0	0
APBA1	0.00442898	0	0	0	0
ALDH1A1	0	0.0142162	0	0	0
LOC340508	0.0382351	0	0	0	0
TNFSF15	0.00335601	0.009821	0	0	0
ANGPTL2	0.00837712	0	0	0	0
C9orf50	0	0	0.0403396	0	0
CXorf28	0	0.0598305	0	0	0
VCX	0.0368692	0	0	0	0
GLRA2	0.00727273	0	0	0	0
MAGEB6	0	0.0188619	0	0	0
CXorf22	0.0114763	0.0169543	0.0146072	0	0
CHDC2	0	0.0162669	0	0	0
GPR34	0	0.0179942	0	0	0
PAGE4	0	0	0.0815998	0	0
PAGE2	0.279534	0	0	0	0
KLF8	0.00472308	0	0	0	0
HEPH	0	0	0.00677482	0	0
AR	0.00275271	0	0	0	0
ARL13A	0	0.0317835	0	0	0
RGAG1	0	0	0.0105898	0	0
AGTR2	0	0	0.0097839	0	0
ZCCHC12	0	0.0177648	0	0	0
MAMLD1	0	0.00933401	0	0	0
CSAG1	0	0.0614156	0.110673	0	0
BGN	0.016014	0	0	0	0
ATP2B3	0	0.00658096	0	0	0
GPR64	0	0.0071313	0.00619446	0	0
ZFX-AS1	0.103843	0	0.126967	0	0
ARX	0	0	0.0242073	0	0
FTH1P18	0.0540991	0	0.128225	0	0
CXorf36	0	0	0.00725104	0	0
PCSK1N	0	0	0.250402	0	0
ALAS2	0.0148283	0	0	0	0
SPIN2A	0.0213233	0.0594966	0	0	0
AWAT2	0.0132577	0.0188359	0	0	0
P2RY4	0	0	0.0822896	0	0
IL2RG	0	0	0.0421527	0	0
POF1B	0.0047934	0	0	0	0
TCEAL6	0.033259	0	0.0205608	0	0
TEX13B	0	0	0.0342967	0	0
CAPN6	0	0	0.0082109	0	0
DCX	0.00234983	0	0	0	0
LINC00633	0.042898	0	0	0	0
CT4SA5	0	0	0.0226426	0	0
FMR1-AS1	0.0225593	0.0777008	0.0154151	0	0
MAGEA12	0	0.0231978	0	0	0
SMIM9	0	0.0419044	0	0	0

GYG2P1

0

0

0.057367

0

0

gene	t0_2
RPS17L	1.96848
ENG	0.342845
IL13RA2	26.8132
NCAPD3	1.2748
HIST1H1C	41.7318
HCLS1	0.364482
JAM3	0.162607
HIST2H2BE	2.18717
ICAM2	3.53635
HOXB13	0.757536
ADM	76.7917
IFI27	16.1101
TFRC	6.34988
AKAP12	0.976191
CA9	99.2278
CALD1	19.121
STK39	6.50454
RGS4	8.00725
HIST1H2BK	40.1583
C8orf58	24.2951
FAM47E,FAM47E-STBD1,STBD1	6.04729
IFFO2	5.60089
SRFBP1	34.0114
AASDHPPT	14.5904
CMBL	16.9542
KLF2	59.564
WDR35	2.74467
VPS4B	9.6939
ZBTB38	3.08046
HMOX1	113.349
RMDN1	13.7783
WARS	77.7423
TFPI	26.4002
GARS	129.804
ASNS	208.429
PIP5KL1	32.5358
MOK	11.7838
NGFRAP1	152.295
ALOXE3	7.92617
FAM86B1	5.48718
LAMA1	17.6285
HINT2	29.6663
STARD3NL	21.5465
S100A2	1396.96
CUBN	1.0547
SNRPD3	83.1736
GFPT2	39.6945
ZNF114	9.84909
SGIP1	1.22601
NPTXR	0.509564
KCNN4	18.8405
TRPV2	1.12504
RAP2B	21.0091
RPS17	0
NBPF11,NBPF24	0.00719605
MTUS1	0.0109309
KCNJ1	0.0155643
EFHD1	0
SIGLEC1	0
C20orf144	0
MASP2	0.0192311
SYNDIG1L	0.02191
CGNL1	0.00576332
BEX4	0.0409771
CXorf30	0.0123394
LINC00649	0
LINC00222	0
SCN8A	0
C11orf45	0.0130981
RBM47	0
KCNV2	0
NXNL2	0.0391804
C8orf12,TDH	0
USHBP1	0.0268829
LOC100129924	0

EDA2R	0.0124945
DLEC1	0
GRIA3	0
C17orf72	0.0202867
FBXO17	0
PTPN6	0
SULT2B1	0
GLIS1	0
GRIA4	0
BCL2L14	0
SLC2A1-AS1	0
PRF1	0
TCP11	0
NOSTRIN	0
C10orf131	0
RIMS4	0
CD96	0
CLDN11	0
TRPV6	0
KCNA6	0
BARHL1	0
RRAD	0.0673756
RAET1L	0
ZAR1L	0
ZNF772	0
WFDC13	0
TIAM2	0
SNX31	0
ANKRD30BL	0
KLHL32	0.0109473
CXCR6	0
APOBEC2	0
ZNF549	0.00970579
FLNC	0.00660945
NAALADL1	0
CYP2C18	0
VTN	0
CPNE4	0
LOC91450	0
C1orf204,VSIG8	0.0192453
NLRP4	0
LINC00310	0
ZNF569	0.00857031
FUT5	0
GIMAP6	0
VSIG2	0
LOC100507346	0
CCDC79	0
CSNK1G2-AS1	0
ABRA	0
GAS6-AS1	0
TMEM150C	0.0236493
SCUBE1	0
TAS2R3	0
RARRES3	0
C10orf82	0.055665
LOC100506136	0.0252739
FRMPD1	0
PEX5L	0.0043105
FAM228A	0
DPYD	0
NFE2	0
SEPT14	0
LOC100505716	0.0193177
LOC284276	0
CPA4	0.0171245
SLC10A4	0
MX2	0.0165621
KCNQ3	0.00353926
LOC100130075	0
C3	0.0100932
MESP2	0
GPR143	0.0374429
ATP2B2	0
ADRA1A	0
TMEM240	0.0825347
IDO1	0.0225214
GJB3	0
RRH	0.0819646

LOC100506895	0
TEX29	0.191258
IGSF22	0.0216005
LOC100144604	0
NR0B2	0.0538257
GP5	0
HOOK1	0
OVOL1	0
LINC00102	0
ATOH8	0.00951623
GPM6A	0
ZNF750	0
HIST1H4D	0
LOC148696	0
KLHL14	0
MN1	0
CPE1	0.00670368
FSTL1	0.0325636
HIST1H2BJ	1.04503
LOC440900	0.110013
VAV1	0.0575504
ZNF843	0
GNG4	0.00955254
HLA-DRB5	0.0477126
GLIPR1L1	0.0492237
PYCARD	0
SRRM4	0
TMEM25	0
BMP2	0.0155268
TNFRSF9	0.00698896
DCT	0
LINC00640	0
GDPD2	0
SHROOM3	0.00422748
MRC2	0
MAP2K4P1	0
CALHM1	0
RCAN3AS	0.214426
TSPY26P	0
LOC100505841	0
MYO7B	0
ARID3C	0
KLK15	0.0454399
A2M	0
LRRC7	0.0061698
TP53AIP1	0.0160878
MYPN	0
C6orf123	0
COL8A2	0.012997
LOC100506422	0
LOXL4	0
FNBP1	0.00908066
STXBP5L	0
VSIG1	0
SLC2A5	0
AGPAT4-IT1	0
PTENP1	0
MYO1G	0
SLC9A9	0
OR13J1	0
HIST1H2BN	0.237028
DNAJC5B	0.0328275
GRM8	0
ARHGEF26-AS1	0
SYT12	0.0173778
TACR2	0
C8orf42	0
LINC00620	0.0500099
STAU2-AS1	0
FOLR3	0
BOLA1	0
DLG2	0
CYP2F1	0
LOC100128288	0.0189463
CBY3	0
CC2D2B	0
DPEP1	0.197361
LOC100506834	0
LOC147646	0.0477069

CRYBB3	0.0871887
ZNF813	0.00869207
PRSS37	0
PVRL3-AS1	0.040006
LGI2	0.0506316
ACTN1-AS1	0
COL9A2	0
EFCAB13	0.00983424
SNORA46	0
SNORA6	0
FAM19A2	0.0111977
MADCAM1	0
ASAP1-IT1	0
ECM2	0.0152213
LINC00173	0.0751073
WWTR1-AS1	0.0645682
LOC100506874	0
PPM1E	0.00615359
MUC13	0
SPN	0
DPY19L2	0
HIST1H3E	0.274396
CDIP1	0
KRT17	0.0404469
WNT5B	0
KLHL30	0
PLA2G1B	0.126912
ALOX12	0
SMC1B	0.0158802
TRIM67	0.00626776
PRPH	0
ANP32AP1	0
DAND5	0.0662946
FOXD4L3	0
SCGB1B2P	0.37043
KRT15	0.0570162
RPL13AP3	0.0318783
MIR1248,SNORA81	1.63126
CDKL5	0
CCL3	0
TMEM45B	0
CLDN14	0.059074
MFAP5	0.0142413
KLHDC9	0.0637522
FAM35BP	0
VN1R2	0
M1AP	0
KLKB1	0.0172541
PPIAP30	0
RIN2	0
EGF	0
KISS1	0.131915
COL5A1	0.00755261
DEFB131	0
FAM71A	0
SLC38A4	0.0395954
GCNT3	0
ENPP3	0
JMJD1C-AS1	0.259362
C16orf62	0.0125383
NAP1L6	0.0225154
RIPK4	0.0163807
RHBDL2	0.0954363
SRPX2	0.0208751
HIST1H2BO	0.459557
FAM83E	0.252861
FBP2	0
PYDC1	0
C13orf45	0
KRTAP5-10	0
MAP1B	0.00649129
SPTBN4	0.106473
BCO2	0
C4A,C4B_2	0
SLC22A14	0
SH2D7	0
SERPINA1	0.0148197
LOC100653515	0
SND1-IT1	0.035413

LOC643401	0
C9orf171	0
LINC00319	0.0245543
RS1	0
RUNX1T1	0
DZIP1	0.0108701
MIR3651,SNORA84	11.4105
TMEM255A	0
KRTAP2-4	0
LRRC25	0
DMRT1	0.0254891
TPTE2P1	0.00573451
ISM2	0
SMAD5-AS1	0.0504783
AOC4	0.0280624
EQTN	0.0758135
KCNN1	0.112222
CDHR2	0.0133014
CRX	0
CETN4P	0.237937
MYH16	0
TMCC3	0.00695028
ARHGDI8	0
SERPIN7	0.0422371
RYR1	0.00405436
MAEL	0
NAT8L	0.0115813
JAKMIP3	0.0468503
STYK1	0.0986711
HSD17B13	0.0929337
NACAD	0
CNDP1	0
PCDH18	0
LINC00568	0
LOC100288432	0.321306
RAPGEF4-AS1	0
HLA-G	0.0424887
ST8SIA5	0
EMX2OS	0
NWD1	0.00631679
TLX2	0
LOC100131289	0.490698
PRELP	0.0181698
C7orf57	0
LGR5	0.0162945
APOBEC3G	0
TIGD4	0.106844
C6orf223	0.0505165
HAS2-AS1	0.0228567
ANKRD53	0
LOC100287846	0
LOC285626	0
LINC00511	0
RPL34-AS1	0.0103828
POM121L9P	0.0198898
RLN1	0
STL	0
HSPA12B	0.0268019
LOC100506655	0.0168464
EFNB3	0
GNRHR	0
CNGA1	0.012705
SLCO1C1	0
KRTDAP	0.530174
CKMT1A	0.0283093
SNORA22	4.81461
SYCP3	0
LOC100129617	0.0254403
KRT5	0.102667
PSG5	0
SLC6A20	0
LYZ	0
HAPLN3	0.0432753
STAG3L1	0
C8orf46	0
TNFRSF1B	0
SERPIN1	0
ZNF733P	0.020827
SNORD94	0

HES2	0
TC2N	0
INTS4L2	0.0274483
JPH3	0.0406342
MAML2	0.00751432
ATP13A4	0
LCN10	0
TMEM59L	0.0494621
ARL17A,ARL17B	0.167063
PBOV1	0.0325181
HP	0
CPM	0.0120134
SLC7A5P1	0.497014
C11orf52,HSPB2	0
QOEP	0.0920385
FLJ33360	0.0206252
B3GNT4	0.279996
RASGRF1	0
GOLGA7B	0.146134
SNORA45	5.37829
PTGER4	0.0150384
ARL4C	0.104397
OR2B6	0.162494
PIGR	0
SLC16A8	0
PRG2	0
FKBP6	0
XKRX	0
DPYSL4	0.0525285
PRICKLE1	0
HIATL2	0.440471
METTL7A	0.0143808
MDS2	0
ALOX5	0.0240374
S100A4	0.387049
GPR124	0.0250781
KCNMB2-IT1	0
CYBRD1	0
KLK1	0
TMEM139	0.0598034
RIMS1	0.0694368
KIAA1683	0.0278296
TRIM34,TRIM6,TRIM6-TRIM34	0.169559
SYNM	0
SP5	0.6367
ST14	0.0221284
FKBP1AP1	0
TRIM17	0.0330539
ELANE	0
DNAH7	0
LRRC37A11P	0.0122576
CD33	0.0993208
SLC28A3	0
FOXD4L6	0.0518547
COCH	0
COL23A1	0.0230869
KRT34	0
CPXM2	0.0287084
RPL13P5	0.484629
SCARNA6	0.487388
DEFB134	1.08327
RGS17	0
RNF39	0.0791686
PGM5-AS1	0
HRH4	0.0127556
CNBD2	0.0543241
SERPINI1	0.0681248
GPR132	0
BTBD16	0
PXT1	0
PVRL4	0.0292971
MACC1	0.00391178
NDRG2	0
KALRN	0.0302791
GPRC5C	0.294989
SH3RF2	0.442553
IDH1-AS1	0.656275
IL22RA1	0.210269
USP49	0.102543

ZNF705A	0
PDE1B	0
HIST1H2BD	9.76384
KCNE2	0.377687
POM121L10P	0.0113103
OPN1SW	0.0651213
SNORA54	0
NREP	0
C1QTNF9	0.0227888
ALOX5AP	0
CLDN4	0.130123
SPATA32	0
KRT80	0.58017
LOC728558	0.0310582
DAW1	0
HOXD1	0.0385415
EPN2-IT1	0
HCG17	0.0778751
LOH12CR2	0.216807
SGK2	0.159471
SRD5A3-AS1	0
SERPINE3	0.038092
LOC728024	0
KIAA1199	0.0789755
ANKRD1	0.27254
EPHA1-AS1	0
SMOC1	0
LOC100289187	0.720797
DAB2	0.00978533
IGFALS	0
HIST1H1D	0.746258
LOC100131726	0
NRON	0
IMPG2	0.0131875
NFATC4	0.216588
TMEM191C	0.188002
HOXA-AS3	0.0276555
HHIPL2	0.0204082
NDNF	0
C20orf118	0.0500798
NCF1	0
PDCL2	0.0496266
NELL2	0
SLN	0.0696562
SNORA57	11.4355
MAP1LC3A	0.175531
SCARNA8	0
SSUH2	0.0983611
GPR52	0
SNORA18	21.779
TTN-AS1	0.153079
DHRS4L1	0.0863413
TUBA3D	0.0768957
SLC35G5	0
TCN2	0
FAM81B	0
HIST1H2BC	1.86573
CSTA	0.170078
FXVD7	0.137907
ASPDH	0
CYP21A2	0.0801572
EPO	0.100081
ANKRD65	0
CDO1	0.0264963
ZNF512B	0.0738366
KCNA7	0
NAPSA	0
LINC00665	0.0323217
GGT8P	0.0210387
LOC100506394	0.0941726
SLC8A2	0.0154909
OAS2	0
ZNRF3-AS1	0.0550013
CLIC3	0
CLIC2	0.0507168
FLJ26245,RNA5SP411	0
TPI1P3	0
ATP6V0A4	0
HIST1H2AM	3.41592

LOC148709	0.127719
LOC100507091	0
EXOC3L4	0.0396353
LOC100188947	0.178482
LOC645638	0.211016
ANGPT2	0.00721769
RTN1	0.0317289
MYLK3	0.0103504
VTRNA1-3	0
LINC00266-1	0.162391
PDGFRB	0.0188646
FBXW12	0.0298639
ARL9	0.132332
SNORD58C	0
COX8C	0
SOX15	0.189958
NPHS1	0.066069
ACSM1	0
HBBP1	0
SH3GL1P2	0.0502862
PVRIG	0
HRC	0.0166577
C16orf86	0.0627433
A2M-AS1	0.060674
PAGE2B	0
AKR1B1	0
LOC100128770	0.0226135
DACT3-AS1	0
OPRK1	0
WWC3	0.00835028
KCNJ4	0
GOLGA6L10	0.0223715
HHIP-AS1	0.0472128
LGALS4	0.10383
TGFBI	0
DUSP15	0.25378
ZBTB20	0.0334145
CGB7	0
TRPM5	0
LIPT2	0.457338
FEZF1	0.245829
MRGPRX3	0.187628
PDZD2	0
C11orf34	0
FCGR2B	0
PBX1	0.171547
RAB3A	1.21538
HLA-F-AS1	0.993572
KLHL10	0.0619714
HM13-AS1	0.144898
BHLHB9	0.0869399
LRRC3-AS1	0.0766743
BEND3P3	0.0160282
HIST1H2AH	0.687339
FOXL1	0.0209354
SNORA76	0
BIRC3	0.223069
LOC100507300	0.0184721
TAT	0
MTUS2	0.0362828
ALPK3	0.018995
RNF112	0.252905
SYDE1	0
ASIC4	0
SLFN1	0.0684037
MAGI2	0.246123
FOXD4L5	0
MTRNR2L1	0.56769
CSDC2	0.0826678
RNF148	0.169277
LUZP4	0
FAM132A	0.30206
SLC15A2	0.0139806
HIST1H2AD,HIST1H3D	1.67248
HBA2	0
PDE7B	0.091556
LOC727896	0.0105908
COL1A1	0.0333613
CSPG4	0.0158903

GPR85	0
PGAM4	0.0873434
LOC145837	0.0484864
TAS2R46	0
ENDOD1	0.261208
PPEF1	0.137626
SERTAD4-AS1	3.92352
RHOBTB1	0.329318
PPEF2	0
CERKL	0.0278202
UNC5B-AS1	1.33785
DACH1	0.168893
TPH1	0
CCDC114	0.0575526
FERMT2	0.0333293
ABCC11	0.01077
ITGA10	0.107714
SPDEF	0
TMEM92	0.143681
LINC00669	0.348645
FUT3	0
LYPD3	0.248963
EPS8L2	0.827788
LOC100128076	0
SSTR2	0.0291975
GALNT3	0
GPR157	0
KLK4	0
COLEC10	0
CYP3A5	0.0266186
LRRRC19	0.020014
C18orf56	4.39489
LINC00441	0.0906487
PADI3	0
KIAA1958	0.303145
SNORA32	0
SCN11A	0
TAS2R31	0
IHH	0.0376239
FLJ25758	0.0359585
ABCA17P	0.073577
GVINP1	0.0163316
LOC440925	0.0398047
HCG9	0
SSPN	0.00935731
ZPLD1	0.0211791
HIST2H2AB	0.263329
GPR162	2.03884
PTGER2	0
STARD4	1.07132
EPHA1	0
HNMT	0
KLK14	0.262608
CCDC80	0.69793
C10orf10	0
LINC00313	0.128711
SLC5A2	0.270179
GFR3	0.0975634
SLC47A2	0
LEMD1	0.0804526
C2orf62	0.0496995
HIST1H4I	1.07073
NKAPL	0.0258846
L1TD1	0.0167115
FABP6	8.02715
APOL6	0.063382
C2	0.098825
ATP6V1C2	0.11955
INSL3	0
CHRM4	0.0535664
SNORD10	3.09976
TRIM46	0.023152
ZMIZ1-AS1	0
SPEG	0
OSBPL1A	2.24555
PPP1R12B	0.344453
CTAGE9	0.0449662
SLC26A1	0.221695
CTAGE15P	0.119635

EXD1	0.014132
PCDHGB8P	0
SRMS	0
LOC100128750	0.47608
ZNF586	0.491544
CCDC13	0.0185139
PCDHB6	0.0184171
GNAT2	0.0638156
TGM4	0
TMED10P1	0.123219
CRB3	1.30284
WHAMMP2	0.0385618
ANKRD61	0.10021
TCERG1L	0.0244647
LOC100129055	0.0696564
ALS2CR12	0.019285
SLC44A4	0.047936
LOC100506801	0.078639
BRD7P3	0
BOK-AS1	0
FLJ42351	0.773559
WFIKKN1	0.236365
FLJ27354	0.641232
PTCSC3	0
B3GAT2	1.20623
TNFSF14	0
PRR26	0.107387
LOC100652739	0.124626
CMYA5	0
GCKR	0.0650828
HOXA2	0.0336691
ADORA2A-AS1	0.021591
RASAL2-AS1	0
CACNA1H	0
ZNF790-AS1	0.0566585
MLLT4-AS1	0.11229
DKKL1	0.867442
C21orf90	0.688185
LOC285740	0.0214679
FSD2	0
CORO6	0.0282537
C5orf27	0
NCOR1P1	0
ST7-OT4	0.0956905
CLDN2	0.0163248
HPCA	0.182166
ALDH1A3	0.0269592
FUT7	0.0308554
HIST2H3D	0.586599
DNM3	0.0196314
AQP8	0.105125
LSM11	1.43487
COLEC11	0.385558
RPL13AP6	0.115274
GPBAR1	0.201816
PRSS16	2.03298
SYT3	0.0894307
PTTG2	0
LINC00623,LOC728875	0.442757
TCAP	0.0699632
MID1	0.0134737
GPR146	3.24166
LRRN2	0.0200678
FAM69A	1.61981
LOC100129138	0.103697
OR2H2	0.170559
HIST1H2BG	1.81804
LOC729444	0.0133998
SIGLEC16	0.206023
MEX3B	0.848332
CACNA11	0
RAPSN	0
PLGLB2	0
RASL11B	0
MORF4L2-AS1	0.101658
HIST1H1E	2.89972
UBA7	0.0940236
C1orf189	0.161767
ZNF860	0.0346268

LOC554223	0.0480029
SVEP1	0
NDRG1	224.351
SPAG5-AS1	0.409388
TAS1R3	0.0729663
ZRANB2-AS2	0.154235
CA14	0
ZSCAN10	0.0451426
ZBTB26	0.598691
ARSI	0.0215614
FNDC5	0.0478102
INPP5D	0.110465
SPNS2	0.516171
ADAMTS6	0.0259168
MSLN	0.0398892
REN	0
PRUNE2	0.00296321
CSTF3-AS1	0.0254701
ZNF205-AS1	0.283193
BCL3	7.31309
DGCR10	0
FAM226A	0.478092
LOC729683	0.5638
IL7	0.356336
ETV3	0.374366
HAS2	0.344403
FAM83A	0.0502015
NPFF	1.6406
SEMA7A	0.221947
SAMD12-AS1	0
CLDN3	1.21689
USP32P1	0.136637
IQGAP2	0.0120279
OLFML2B	0.262465
GOLGA6L10	0.0445775
HIST1H4A	1.04231
NAALAD2	0.0454041
FTH1P3	0.314196
CADPS2	0.402237
RNF223	0.296551
LOC100507250	0.11318
GCNT4	0.0106932
CDHR3	0.034315
TRIM58	0.00961833
DYNC111	0.0891282
LOC79015	0
DNAI1	0
GRIN2C	0.0796638
FLJ37201	0.0373707
RRAS	23.166
ANAPC1P1	0
SSBP2	1.22775
CACNA1G	0.00887676
C10orf55	0.0707305
SBSN	0.0964102
OR13A1	0
FPR3	0
HIST1H2AE	9.9536
LINC00239	0.306415
GDPD3	1.27147
ACSBG1	0.127297
RPL19P12	0.0474624
ENPP6	0.0338143
LCN12	0.121866
KIF17	0.608333
ZNF732	0.0151725
TMEM74	0
LOC730091	0
TCF7L1	0.0491822
APOA1	0
IQCD	0.186919
RAB30	0.0552969
SPDYE8P	0.0319299
LMOD3	0
MAF	0.00703887
PSTPIP1	0
RPRML	0.127141
ALLC	0.033562
SYCE1	0.0345452

DLEU2L	0.0979783
EAF2	1.08964
PON3	0.779455
RPS6KA2	0.214374
PIN4P1	0.0176605
C1orf106	0.188854
ANKRD37	10.6217
DRD4	1.16783
DUXA	0
SPRY1	2.61345
ALG1L9P	0
SLC28A1	0
SLC34A3	0.0423816
ENO1-AS1	0
CBR3-AS1	0.57355
IL17B	0.105336
CREB3L2	2.5386
DNM1P35	0.128037
TACSTD2	0.0392201
DENND2D	0.0404993
IL1RAP	1.3203
PRCD	0.0713902
PCDHB18	0
C6orf52	1.63927
IRAK2	0.759058
NOS1AP	0.126881
CBX3P2	0.217931
C12orf60	1.37747
FHOD3	0.0383113
GABBR2	0
GNMT	0.285337
LRRN3	0.0103967
MORN5	0
DKK3	0.128662
LCN2	0.135749
RASA4CP	0.1484
ENPEP	0.0152308
RHD	0.134452
CLIP4	0.0190918
INSIG1	9.57394
HIF3A	0
CD82	1.50774
CALCRL	0.00591231
ZNF841	1.28228
LGALS9	0.0755497
EYS	0.0163793
DDAH2	31.3028
HIST1H2AC	4.89686
DERL3	0.910195
MTRNR2L10	0.843716
RIMKLA	1.58061
ALDOC	113.488
ARHGEF33	0.0204422
REPS2	0.348016
ATXN1	0.242608
ARMCX2	0.106007
SHISA7	0.00966793
HERC2P3	0.441367
NRP1	0.682711
AGSK1,LOC727849	0.191738
CXCL2	0.268759
KRTAP5-8	0
SNORA44	0
CLEC2B	0.155473
MIR210HG	10.1872
N4BP2L1	0.510045
NOXRED1	0.145165
HIST2H2BC	6.27035
FAM46A	0.243959
LOC115110	0.591433
LOC143666	0.882002
DNAH11	0.00532961
CYP46A1	0.033193
HSPA5	162.196
HSP90B2P	0.0128505
FOSL2	3.74948
LCE1E	0.109558
TMEM191B	1.27126
RBP5	0.18472

C1orf110	0.186359
JSRP1	25.5124
SLC5A12	0
ADAMTSL1	0.262507
C17orf74	0.293386
PARP10	2.85761
CAV1	4.81759
PAR6G-AS1	0.315331
PGPEP1L	0
ASIC3	0.705613
ACSM3	0.415157
CD274	0.70033
ZNF550	0.122183
ANGPTL3	0
LINC00634	0.204663
BTC	0.0380229
NLRP3	0.0708545
TMSB4X	248.388
SYNE1	0.01255
C4A,C4B	0.0211326
CLUHP3	0.198668
PRSS8	0.313325
RASGEF1B	0
SNORD15B	23.3728
SNORA23	1.08499
LIPG	0.055881
LOC100499489	1.36261
CERS5	19.6393
AGPAT4	0.313872
ZDHH8P1	0.533922
LNPEP	0.557699
FGL2	0
OR51B5	0.354979
EDARADD	0.561082
C11orf16	0.052472
CSRP2	20.0842
CACNA2D1	0.048327
CCRL1	0.0315199
ASPN	0
LOC100270746	2.22183
C19orf35	0
C2orf15	1.04664
LINC00304	0.0309412
LINC00628	0
UCN	2.21592
FRMD5	1.18453
MYB	0.68741
TUFT1	9.40589
MPP7	0.1166
FAAH2	0.598159
TINCR	0.271781
GPRC5D	0.365021
AGSK1,LOC727849	0.0790058
TCP10L	0.411989
ANXA9	0.339576
C10orf12	0.427093
LINC00162	0
MAGI3	0.327226
PIPSL	0.011958
FOXP3	2.25335
DOC2GP	0
CCDC167	20.6122
INSIG2	7.12166
TUBB1	0.0644495
HOXA1	1.34337
CCDC19	0.143414
SERPINC1	0.0306226
DEGS2	0
MYO7A	0.137713
TRIM5	1.82936
TNFAIP3	0.2388
COL6A6	0.00901183
F3	1.6655
FABP2	0
LHPP	8.12933
LOC286190	0.0204848
PKLR	0.406452
DDC	0
GNG12-AS1	0.0191507

LOC730668	0.0403162
CDRT1	0.0456053
TSPAN15	4.39389
TAGLN2	60.9474
PFKFB4	30.8396
ANGPT4	0.0316169
SNORA64	12.6285
LINC00622	0.136945
HIST1H4K	0.361739
PROM1	0.0416871
CD74	0.0414059
LOC339666	0.184841
ERVFRD-1	0.0138237
GSTM1	16.3881
CES4A	0
SVIP	4.64675
TMEM121	0.58137
ETV2	0.432986
C17orf50	0
FDPSSL2A	0.0346109
KCP	0
LRRRC33	0.0878051
SPAG4	18.2809
CALR3	0.0359728
LOC283177	0
HILPDA	20.7844
SLC29A1	57.8853
NPPA	0.160449
KCNMB3	0.447848
NEK10	0
HTRA1	0.248743
PFN1P2	0.30385
GRIP2	0.0339001
BOLA3-AS1	3.30879
DLEU2	0.169261
LOC154761	1.4848
SCD	54.6705
ZNF829	0.0067266
ARL6	0.756206
LOC100128361	0.437543
RPL23AP64	0.274994
GAS1	0.301982
LOC440356	0.198541
CREB5	1.97782
LOC283038	0.0532876
TLR1	0.0411763
MAP7D2	0.0216654
C17orf78	0.0211304
RUNDC3A	0.689098
ZDHC15	0
LDHC	0.0675312
LOC100505738,MIR4458	2.30361
RASD1	0.0570723
NIPAL1	0.0389361
PLEKHG4B	0
FXYD1	1.20746
ATL1	0.510072
TMTC2	0.124628
KBTBD3	0.462992
CDKN2C	8.57718
MARCH1	0.114546
ZNF274	0
HFE2	0.0308784
TPPP3	0.193246
SNX33	19.5532
GEMIN8P4	1.00671
GLUD2	0
PLA2G3	0.0213192
FOXDL1	0.472429
JAK2	0.263202
C3orf20	0
MAP1LC3C	0.878532
TSSK6	1.50186
HIST1H3G	0.774622
CPEB2	0.114507
TAGLN	30.5041
RTN4	98.8718
BEAN1	0.151922
RAB20	16.8928

RNF144B	0.107765
CCDC171	0.404259
PHF19	64.021
RAET1G	0.304728
CDH5	0.0121936
FAM63B	0.327111
SEPT4	0.290071
PHF1	22.0402
PDE5A	0.250106
ING2	5.45047
CLK3	16.218
FABP5P3	0
AMZ1	0.0135805
NEU3	0.246337
HOXA11-AS	1.63834
SEMA3D	2.66563
HEIH	0.0439554
LRRRC26	3.89656
HIPK3	0.305257
HIST1H2BM	0.211044
XKR6	0.195425
MANF	71.5919
SMIM1	6.55768
GADD45G	1.18231
TBX19	0.307753
ADORA2A	1.24518
C1orf51	0.148738
EFNA5	0.613942
NRGN	9.61079
SLC43A3	0.165523
HLA-DRB1	0.0482169
CDKL2	0.116232
LINC00671	0
FAM160A1	0.9626
IFI6	3.5355
IL34	0
THAP8	2.98566
LOC100129917	0.0402195
HCAR2	0
ADAM11	2.56516
DUSP8	4.15521
CDADC1	1.53746
C1orf192	0
SOX2-OT	0.688789
KLF9	0.87052
OSBPL10	5.65675
MICALCL	0.195286
RFTN2	0.0255268
FAM167B	0.803108
SGPP1	3.72062
COX17	108.276
PNKD	40.9314
IRS1	0.377418
LINC00696	0
FAM219A	6.6158
TMEM8B	3.44051
PIAS1	3.98719
KCNE1L	0.381466
GPRC5A	5.11434
ACTA1	0.370303
SERHL	0
RIMBP3	0.0360475
NRN1	24.0271
VPS9D1	1.31617
LOC100506195	0
PCSK5	1.19128
FGD6	0.0719042
PAX6	0.0623193
LOC285819	0.231115
DNAJB4	2.18072
SFTPB	0
SNORA26	21.7919
LOC728875	0.277654
C3orf45	0
EGFR	0.825317
LHX3	0.343749
SPDYE5	0.0920317
P2RY1	0.0838721
LOC150381	2.87017

HOXA4	3.40978
PLOD1	86.2111
PER1	3.68437
FRZB	0
LPAL2	0.214606
SEMA3C	0.145876
FGD4	0.123772
PLEKHH3	7.4036
SEMA3A	1.0142
DDR2	0.0408827
PMS2P4	1.199
PRSS12	1.18483
HOXD4	1.01928
WHSC1	9.80979
TULP1	0.0977731
OTOA	0.0945844
MAP3K9	0.338654
TBC1D3	0.252324
CNGA4	0.0297012
MST1	0.911925
TP53TG1	4.79114
ZNF821	3.69767
ABHD12B	0.0298316
MLLT3	2.43456
ARAF	14.9686
EFCAB5	0.00896265
ROCK1P1	0.384737
FNDC3B	1.80295
MAPRE3	0.646418
MLK7-AS1	0
GMPR	12.0904
ZNF878	0.208191
PGF	12.6237
ZNF414	10.5214
MBD5	0.129398
SLC22A31	0
SEC24D	2.76025
SPINK1	0
LINC00672	0.0525284
TECTA	0.00785303
CCDC144C	0
LINC00273	0.0960848
TENM3	0.0980063
MATN1-AS1	1.0417
GSDMB	1.6706
ASH1L-AS1	1.37288
SEMA6A	0.0330982
HMSD	3.9004
HP07349	2.41257
CLEC3B	2.0779
PDLIM2	117.947
CHST7	0.928576
SMAD3	3.78023
OLAH	0.0263537
TK1	83.444
LPCAT3	7.10422
ZNF461	0.250462
RORA	1.07082
CTDSP1	39.6654
HRASLS	0.177297
LCE1C	0.262809
CHRNA	0
GGN	0.408789
TXNDC16	0.378129
BHLHE41	2.85115
TET1	0.00405885
ANKRD45	0.016081
CXorf57	1.25489
C14orf105	0.029891
PRDM10	1.21039
ZNF620	0.471064
FBLN5	2.13698
EFEMP2	1.47801
LLGL2	26.9093
LOC113230	3.93194
P4HA2	20.5257
RAET1K	1.47102
HMGNS	1.22767
EEF1A2	0

PPP5D1	0.0801207
STAC3	0.317013
DFNA5	0
ARHGAP42	0.164985
LINC00115	1.84503
RBM44	0.0643044
ZNF154	0.0141787
HIST1H2AK	0.239442
RNF122	2.70139
AATK	0.416667
DBP	12.6135
RALGAPS2	1.99341
AXDND1	0.562524
CD163L1	0.188805
C9orf163	0.294676
GPR18	0
ACSBG2	0
C12orf73	2.9841
C1orf114	0.0191259
PCYOX1	4.30941
CLUL1	0.039515
HIST1H2AI	1.47559
LMBR1L	8.52206
LOC100131434	0.0204257
RDH16	0.116239
HYAL1	0.0378887
LMTK3	0.492162
RPSAP52	2.41762
FAM19A3	0.925353
SEC14L1P1	0.184246
PYY2	0.775083
RASSF2	0.0236198
CTSL2	2.01847
PMS2CL	2.21484
ARTN	0.217167
ZNF204P	0.948374
IL20RB	0.230694
CAPN5	3.8011
PVRL3	1.00926
SLC44A3	0.508736
YY1P2	0
IQSEC2	7.47561
FLJ42709	0.466326
SCARNA10	1.20577
ZNF717	0.135388
PC	1.30222
MAPK8IP1	0.858779
LYSMD1	1.89648
ILK	58.6386
SEMA4B	11.022
TMEM53	1.33295
MIER2	12.63
SH3BGR2L2	1.39901
LINC00565	0.625071
GLCC1	0.534683
KLF5	1.23531
STARD5	0.996534
CLDN23	0.42297
HS3ST3B1	0.0933758
HSH2D	0.220282
LOC100292680	0
SMIM14	1.09042
NRM	18.5469
SLC23A1	0.0244448
DHCR7	31.2044
SULF1	0.0213378
PYGM	0.0525158
FAM209A	0.090008
HSD17B7P2	0.611987
KIRREL	0.706293
AP1M2	3.11509
LRIT3	0.0810444
KDM5B-AS1	16.8266
KLHL36	9.77683
RFPL3S	1.51957
KLF11	1.26868
FOXJ2	1.83852
CCDC28B	5.43341
SYNGR4	0.0821348

ANKRD36B	0.168842
REC8	0.39331
LOC400043	0.0487601
SCARF2	1.54152
RASGRP3	0.0357856
KCNK3	0
MGAT4A	0.987336
IGFLR1	2.01831
TEC	0.78339
PLA2G4A	0.798417
OBSCN	0.527861
SNTA1	11.9534
CLVS1	0.0424044
LYPD5	0.270246
MGC12916	2.22738
ACBD7	1.34847
C2orf48	2.37896
TMEM81	2.74662
CRTC2	15.215
HSD17B8	4.74327
LOC100505666	0.663816
DFNB31	9.11555
ESRRB	0.252639
WDTC1	0.946875
MAP2	0.11521
CAND2	0.0635338
BTN3A1	1.10531
SLC9C1	0.00844937
ZNF469	0.00573187
DUOX1	0.022094
ZFAND2B	25.2811
C11orf68	52.1516
FAM115C	1.09193
LOC100505695	3.17955
PCIF1	9.44027
LOC728228	0.103279
HCG25	0.226292
DEPTOR	0.625333
SLC7A5P2	0.433307
FUT11	2.62745
RYR2	0.150063
UTS2	5.44657
LIPE	3.27171
C2orf82	4.07344
LOC100131257	0.00164476
MTRNR2L5	0.0220577
SNORA80B	5.53669
GJC1	7.78732
KIF12	0.802053
ASB4	0.00964038
KNDC1	0.736021
GCHFR	59.456
SH2D3A	6.31706
ETV1	0.4513
BTD	1.04509
SDF2L1	57.0666
GAMT	0.296162
FRRS1	0.429677
FOXP4	8.54752
TMEM163	0.0286146
MAGT1	7.50264
SPINT1	41.654
USPL1	2.33865
TMSB10	4890.71
FAM63A	5.20546
PDGFRL	4.03951
KLHL25	2.64998
KDM4A-AS1	0.385124
PPP1R3F	0.571706
TLR9	0.0182142
RFX2	2.50086
SLC22A11	0.0287137
LOC100616530	0.300547
MGAT5B	1.78009
IRF7	0.0454952
NT5E	0.593728
LRRC3	1.00053
KIAA1244	2.23759
RBAK,RBAK-LOC389458	26.7659

SNAPC3	2.64613
F2R	0.685187
ZNF488	0.22176
FEM1B	0.933239
RTN4R	14.7167
CMPK2	0.223318
GAD1	7.65063
CPEB3	0.189665
LONRF1	4.11487
ZCCHC2	1.21505
FRAS1	0.631294
ZNF284	0.968136
FGF18	0.176613
FP588	0.155434
KCNJ14	0.446293
ESAM	7.72149
ATOH7	0.163343
ZNRF2	1.3606
CDK2AP2	43.4055
ARPC5	22.7339
SMPDL3B	1.10017
NRSN2	0.188644
HK3	0
FLJ43681	0.493995
CRYM-AS1	0.242774
LOC100133957	1.98263
IFITM1	0.827503
RGS12	1.83869
VPS37D	17.6309
BTN3A3	0.645851
E2F8	0.692695
PRH2	0.00885937
SGOL1-AS1	1.5727
CBWD2	1.28499
PRORS1P	0.299135
ETNK2	0.991009
SNORA74A	0.829775
ACAP1	0.709273
KIAA1467	1.46382
ALDOA	3825.08
SH3D21	3.49472
MFGE8	13.5116
WTIP	1.47125
THRA	6.72878
OXCT2	1.07191
SLC16A4	0.0221082
LOC729970	1.80188
FUZ	1.81591
MSS51	0.710148
IFLTD1	0
JUND	91.145
CCDC154	0.300465
LOC220729	0.949074
CRISPLD2	0.0106258
MSMO1	16.8062
HKDC1	1.1304
CYBB	0.0444722
BEX5	11.7911
C19orf81	1.40941
TIGD3	1.69664
SYTL2	0.436377
BRIP1	1.63463
SAP30	28.9419
POU2F2	0.0827868
TMEM170A	4.39652
IFIT3	0.276704
C20orf196	2.33889
PLAT	0.576419
RNF157	0.415675
FGFBP3	1.4625
MT1JP	0.787551
ANKRD50	0.844657
TMPO-AS1	0.880996
SAT2	116.891
DBIL5P	0.219729
NMU	15.8532
TBC1D28	0.0252998
DNAJC3	5.06256
TNFRSF8	0.280596

HSD17B7	6.51434
ZKSCAN4	1.53213
CRYBG3	0.216069
CABYR	0.441496
TRABD2B	0.0477229
ATF3	15.5979
ATP6V0E2	0
RTN4RL2	19.9497
SLC2A1	68.4202
PDIA4	50.7208
PHF7	1.27538
SYP	0.315893
MRPL27	66.3957
SPEM1	0.479687
NTN4	0.458195
LOC553103	0.150245
PHLDA3	79.7015
SREBF2	22.9703
ITGAE	2.95931
PVRL2	36.0616
ZNF815P	0.58108
LOC728743	0.579289
AMIGO1	2.0386
PFKFB3	17.3564
LOC100129046	0
GPR89A	3.95604
TSPAN10	1.12238
SLC11A1	0.175955
NS3BP	1.47399
LINC00460	0.495585
DMXL1	0.655691
LOC400752	0.775114
SNAI3	1.77524
AKT3	1.39114
STARD13-AS	0
LDLRAD4	0.0453313
TFEB	1.64287
LOC100130238	0.0162575
BREA2	0.664253
FLVCR2	0.714811
NFAM1	0
FAM162A	273.203
ARHGAP33	1.21466
MBOAT1	1.06507
RAB6B	0.365533
LOC284837	0
PSCA	0.481893
TAS2R4	0.0610477
ENPP1	0.58808
KPNA7	0.0316489
RASSF7	32.8231
TRPM6	0.0412637
STX11	0.195457
MCF2	0.0100574
TMEM120A	29.5846
ABHD4	6.30395
NUCB2	8.58893
PARP16	7.69801
POU5F1P3	0.0561044
LRIG2	1.53124
JPX	3.38661
ITGA1,PELO	15.3159
TXNIP	16.6037
ARHGEF5	3.55897
FADS2	6.12012
E2F1	10.8428
PROSAPIP1	3.00001
ICAM4	0.207918
PITPNA-AS1	13.39
MPP2	2.97038
HAPLN2	0
H2AFX	167.741
KRT10	14.3835
ERMP1	2.99715
DUSP10	0.438004
BAAT	0.0684741
PDZD7	1.92452
TRAPPC6B	3.61353
UNC13B	1.11361

CALR	365.244
MNF1	24.8601
ZNF224	0.0149834
SLC25A5-AS1	0.295282
CD27	0.190674
TBC1D2	9.14665
MYBL2	12.6587
EIF1B-AS1	0.107277
PCDH11Y	0.0249668
CNPY3	48.5003
IFIH1	0.46459
HAL	0.0575554
RBFOX3	0.02823
SMAD6	0.533155
MYL9	64.8852
LYSMD3	2.03676
SLC39A10	3.17485
MSI2	4.59084
PTGS1	0.00932742
LOC100506804	0.136499
EMILIN3	2.31934
HBE1	93.4513
MYH10	0.0738871
FOXP1	2.10937
PJA2	2.58269
USP30-AS1	0
RGMB	6.10167
CFDP1	20.857
FBXO16	0.797075
PLIN5	1.23009
OLFML3	0
LOC648691	0
CACFD1	4.76893
CARHSP1	20.2361
CABLES2	1.03227
KTN1-AS1	1.61375
PCDHB15	0.0471376
TMED1	28.33
ASCL5	0.504664
GPX3	0.0281582
RASA2	0.387635
FITM1	0.815982
GNAQ	0.55608
SMAP1	2.24405
RAVER1	24.8883
CTAGE6P	0.0292417
NCOA6	3.40232
SRGAP1	0.390141
SMPD3	0.36332
PLAU	23.5535
SBSPON	0.233366
U2AF1L4	3.14537
SEPT1	0.948305
UQCRHL	1.40025
ATP2B4	0.955791
ZIC2	5.16674
ANKRD20A5P	0.0478753
FAM110C	1.18283
KDM3A	15.0905
DKFZP434A062	0.0120195
CCDC175	0.274418
TFAP2A	2.44889
TNFAIP8	2.38717
ZFP14	0.272763
ZNF649	0.107918
ZNF30	0.505655
PAG1	0.0761262
OIP5-AS1	8.13645
LOC284581	0.0274423
FAM72B	1.5713
DAZAP2	24.0899
LPAR2	11.9708
LDHD	2.32734
PRELID2	5.67471
MT1L	1046.54
SLC39A9	11.9447
BCOR	1.55466
IGSF3	1.25747
TTC37	1.19812

DNASE1	0.460493
STXBP5-AS1	0.0256474
FBXL8,HSF4	6.04887
WEE1	21.064
HIPK4	0.0909805
NBPF1	0.803393
FNDC4	9.44494
PIK3IP1	1.80128
SLC10A7	0.500582
LOC100129250	13.3639
CYB5A	9.59121
LINC00324	0.710597
DIP2A-IT1	0
FAM72A	1.27539
RAD54L2	0.219679
CDCA3	26.3001
MMAA	0.389428
REEP1	0.487842
FANCM	0.334477
LURAP1L	4.70427
ANAPC15	19.2799
RSBN1L-AS1	4.50887
PGAP3	1.36856
VCL	10.2903
EFNA4	28.8298
HDAC6	1.57272
MYOM1	0.122381
RHOG	56.4679
NKX2-5	22.6703
RAB11FIP5	18.2887
IFI35	4.59538
ABCA1	0.0115021
TEF	1.78804
AGAP9	0.138247
CECR6	0.390403
ZNF143	4.64816
LEPREL2	16.8691
DSTNP2	3.0066
FBXO6	15.2551
USP18	2.35092
FAM64A	15.9984
KCNH1	0
SPAG5	15.7107
SHBG	0.352606
SKOR1	0.372666
LCP1	77.3194
HLTF	0.0390387
MAP3K3	4.00454
KHK	5.44349
FANCG	12.8058
KLF4	4.91965
PIM2	17.1862
RGS2	2.08085
TIMP2	5.8377
STX8	40.1972
KIAA2013	47.5801
SOCS1	2.32863
CCNG2	6.27942
KIAA0430	1.49584
ERN1	0.172591
HCN3	0.519128
SHCBP1	4.93358
PPAPDC3	0.113318
JHDM1D	1.68829
CCSAP	1.75378
PPP1R3E	1.75103
MYL2	0
DAPK3	113.566
HYLS1	2.93415
PLCB2	0.118659
BACE1	2.1044
CACNA1D	0.0058724
CYTH1	3.71258
CA5B	0.518721
C19orf73	2.82037
TPP1	28.729
DPCR1	0
FGF17	2.28076
RPP30	5.12749

RELB	12.4502
CRYBB2	6.52717
MOV10	24.0579
PARD6A	14.2497
TUBGCP4	7.02417
AKAP9	0.282047
ZNF784	7.29402
CROT	0.515344
N4BP3	4.40965
FAM3B	0.17647
ATP1B3	73.305
DNAH5	0.00980845
RRAGB	2.69854
CNTNAP1	4.52355
RNASEL	0.412564
CCDC120	0.203196
ATP8A1	0.214765
CAMK2D	3.01461
PAIP2B	1.67336
YPEL3	16.8591
FKBP2	72.339
SNORA72	21.1032
ORC1	3.06191
TSSK2	0.768284
NES	5.01822
WDR54	79.4539
MURC	0.195056
LINC00263	13.65
TIPARP-AS1	0.30668
PHLDB3	9.13613
DYDC2	0
C5orf45	53.0705
DRAP1	442.354
C1orf220	0.066976
CLDN22	1.25914
C10orf118	0.233137
TMEM91	5.80588
TTC13	1.27397
CTGF	10.1219
IKZF3	0.00928112
CSF1	2.06088
LOC441461	1.69663
HERC2P10	0
NCKIPSD	19.8494
LRRIQ3	0.171349
CGRRF1	6.75161
C6orf106	12.8127
DNMT3A	1.11199
C14orf1	25.7071
LGALS1	1981.53
CTSS	0.0283502
PDXP	42.5083
WDR62	6.05308
SUCO	2.78905
CREB1	1.72363
NR5A2	0.0475484
CDH24	7.47072
DHRS13	29.2678
PMFBP1	0.0608268
FIGF,PIR	0.586084
GPT	0.196747
GLB1,TMPPE	25.5406
ART5	0.384127
CCBL1	9.40136
C1R	0.331368
BMS1P5	0.14502
GCAT	100.209
PAF1	13.766
CRHR1	7.47355
RASAL1	0
CTAGE4	0.341651
NUDT22	48.9707
ANKS1B	2.27812
SLC29A4	10.7216
ARVCF	12.2991
MTMR11	1.82618
PRR15	1.81974
LOC400680	0.527061
RAB3IL1	5.9429

ARMC7	6.40009
FHL1	0.0552926
SLC25A13	4.7684
B3GALTL	1.28146
GLCE	0.998633
ZNF33BP1	0
TVP23A	0.014745
CTSK	0.509182
SYT15	0.877204
EBP	54.9825
GGTA1P	0.168611
TMEM184B	16.0123
ERP44	13.7797
HOXC10	7.32748
ARRDC3	5.92511
CCDC61	6.85465
CTAGE4	0.0147389
EHHADH	0.497505
CTDSPL	5.43093
AVP1	14.1816
RDH11	15.4845
TRAF6	1.41787
ZNF624	0.322877
OST4	448.43
KCNJ5	0
CGN	1.17577
FOXF1	1.61593
ANKRD10	8.9709
CYP2D6	1.34323
PGK1	650.748
MTRNR2L6	0.626745
POT1	2.90078
C10orf111	0.149937
ANKAR	0.187317
CCDC107	11.6614
HCFC1R1	314.592
LAMA2	0
GSTM4	11.9107
UBTD1	32.0336
TUBB6	4.70896
HMBOX1	0.816892
SLC22A4	0.215241
SERPINF2	0.191539
MICB	6.8542
PLEKHA2	7.84466
LOC643623	0
RAD54L	7.52312
LOC388152,LOC642423	13.3346
PKD1L1	0.0816207
TIGD7	0.13605
UAP1L1	30.5445
JMJD6	22.8117
TMEM200B	6.21637
SLC27A5	18.1779
ODF3L1	0
SLC35G3	0
NKAPP1	0.321208
FAM229A	3.12319
SLC48A1	8.66637
SEPT8	8.24191
MESP1	34.5947
DKFZp779M0652	1.09016
NFIL3	32.0466
ESYT1	31.0564
SRGAP2D	0.17917
SNX30	2.29215
PTPLAD2	0
HEPACAM	0
LINC00574	0.0796086
SPDYE1	0.127629
SLC39A8	9.53388
C4orf3	75.2455
PAK4	32.2718
ANKRD36	0.225243
FOXD1	75.9076
DPM3	101.702
WNK3	0
AMN1	1.07098
LRP5L	5.27622

TFCP2L1	0.748939
BCL9	1.30278
SVIL	1.40118
PTGFRN	6.35171
PDE11A	0.0764403
LASP1	51.3076
DPYSL2	4.37971
TTC39B	0.277949
MNX1	19.3579
ERO1L	30.3157
HIST1H4E	6.75934
CDC25A	4.64994
PIKFYVE	1.52548
TMEM48	5.53502
ZNF248	1.50115
KIF20A	6.60821
SUN2	17.1603
CLCN6	2.09741
SAP25	1.09829
ANG,RNASE4	16.3156
ITGA6	1.85074
OSTCP1	0
GPNMB	0.11653
FOXN2	2.92198
RGS9BP	0.198735
CCDC50	7.06738
KCNK7	0.392835
PRMT8	0.690032
CABP4	0
TMEM106C	84.0444
SLC2A12	0.440464
MYADML2	0.113129
LOC100130417	0.145254
NECAB1	0.0283323
FAM193B	6.96034
CCDC23	11.0259
TTLL7	0.0908211
HERC2P2	1.76565
PBXIP1	6.51958
ERAP2	2.60651
CBX1	43.4276
H1FX	203.358
ANXA2R	3.44564
INCENP	5.59294
ZBTB25	2.52007
CXorf40A	6.36176
SPRY2	6.25353
CSF3	0
APOBEC3F	2.82594
DCUN1D3	1.74492
MECP2	27.7913
NEO1	4.99799
HCAR1	0
SLC45A1	2.80091
WDFY3	0.812588
PDIA6	110.329
MVD	32.257
CASP6	9.02502
TBC1D12	1.6263
CCDC9	5.78807
TMEM116	3.15055
GUSBP3	0.0337573
C1GALT1	2.92392
RAB3D	9.77326
LOC100507117	0.020276
AQP6	0.0212488
TECR	92.809
VEGFB	65.83
PPP1R11	40.2856
ING1	5.51853
SCAMP2	34.333
COLQ	0.492579
BPGM	3.13856
ETV6	1.87433
C1orf213	1.14547
ZNF292	1.1862
MANBA	8.80551
MIF	3310.04
KIAA1324L	0.215212

TEKT4	0.525226
IRF1	2.16918
UTRN	0.852973
BMF	0.234436
C11orf92	0.0920963
RRP8	11.5843
BAG6	58.1975
INE2	1.69117
MOB3A	7.78342
SRPX	9.72234
NTNG2	1.27089
PDP1	4.30895
DBNDD1	36.0718
MAPK7	7.88233
TIFA	6.56833
COQ2	13.5155
RYBP	5.97472
BRPF1	5.04665
TGFA	2.06525
GREB1	0.0708579
ZNF641	2.22784
ARHGEF26	0.0928894
C6orf47	8.41703
CCDC110	0.0874385
ANKRD23	1.16152
MAP3K4	1.89623
GALR3	1.4098
CREBRF	1.78652
BANP	5.73682
BLVRB	168.964
CACNA2D2	0.136334
AP2S1	171.602
MTFP1	145.707
TP73	3.10216
AKAP7	0.816274
CEP55	13.5009
MET	6.98201
TAF5	2.63938
KLF12	0.359233
PCDHB3	0.156394
MAP2K7	19.0293
MT1B	0.266044
PELI3	9.51943
PPP2R5B	13.9899
COX8A	864.789
PHPT1	95.7817
BCYRN1	16.47
ITGAV	2.09375
SGK196	0.315514
TUBA4A	72.1059
NBPF3	5.18227
BTN2A2	2.77971
ARHGAP32	1.24716
SLX4IP	0.353477
HLA-L	0.00844234
BAD	67.552
MYO1D	2.95208
RFC1	6.54327
ENPP5	0.330093
LOC100271722	2.62722
FOXD2-AS1	3.36828
LINC00853	1.89451
CSRP1	86.5311
SCFD1	7.1815
MKL1	4.25266
KCNJ11	5.61513
KLHDC2	16.5758
NAIF1	2.94528
MEF2D	9.62044
FKBP9L	0.380814
GRN	132.684
EIF2AK3	1.78555
COX7A2	271.569
SMTNL1	0.0586743
PRSS23	2.23568
ALG12	5.44247
TRIQK	2.1694
TNXB	0.0445007
LOC729041	1.87387

LRRN4	1.31426
PHKB	3.80379
PROX1	0.0387076
BST2	326.655
PGM5P2	0.102188
C17orf104	0.0779639
COX20	4.5426
DDT	250.03
EME1	2.05025
LOC284801	0.0739913
ZNF487P	0.26858
CYR61	189.987
AGBL5	10.5382
ZSCAN2	6.013
CAPN7	2.8424
GBA2	8.76153
ALKBH7	66.8317
LINC00659	0.519477
DMAP1	12.6722
CELSR3	0.589624
COL7A1	0.373646
GAN	0.200915
TLN1	12.5874
ZNF548	1.24811
IQCJ,IQCJ-SCHIP1,SCHIP1	5.95432
PLA2G12A	3.78634
SCARA3	8.17482
FUT1	3.06637
ISCA2	28.6007
TNNI2	0.0899711
PLK4	3.7467
GPR156	0
SLC44A2	14.73
CDC42EP4	6.93274
MDC1	4.03182
HOXA13	0.872515
YOD1	1.55763
PSMB10	44.5416
ITPR1	2.04937
ARID5A	7.98351
KIAA1715	3.52918
LIME1	7.43733
ZNF844	0.965323
BNIP3L	38.8941
CRTC3	6.70385
PMCH	1.07545
MAP3K11	16.7824
FLJ13224	0
DPP8	0.664004
TBC1D5	3.32673
TBC1D22B	3.75831
YPEL2	1.31028
CAPS2	0.0481141
GHDC	12.9453
TPI1	945.425
GLS2	8.84767
HSP90B1	83.902
NFKBIE	9.76042
XKR8	8.19426
THEM6	72.2395
BLCAP	29.9952
CDKN2D	8.49902
IRF2BP2	24.7376
SNRNP70	107.992
TAF3	2.14083
PANK4	8.6999
LPP	1.92084
MPC2	12.4138
LOC100506314	0.603482
PMM1	50.8087
PDE8B	0.097557
USP30	1.99624
TANC2	1.34472
TMEM151B	0.0290158
CASP7	3.92941
IL10RB	17.143
CDON	0.183815
KIAA1328	0.389473
MBIP	4.72328

EXOC2	3.44866
IFT27	11.5352
XRCC6BP1	4.47716
MICA	26.6957
TPT1-AS1	5.14513
HSPA1B	35.7896
METTL12	5.73072
MIEN1	89.1596
CLK4	4.30932
GPI	253.335
LINC00294	3.00053
FAM46C	0.155329
FLJ20021	2.50326
GKAP1	2.22312
PARD6B	2.33686
AVIL	0.212725
ZNF585A	0.828794
GMEB2	5.34606
LOC100506233	3.08628
DSC3	0
CAV2	2.13492
TSC22D2	8.01534
GPR126	2.11693
TMUB1	146.047
F11R	4.22934
DTX2	11.0708
GM2A	8.23392
ACACB	0.374727
TET2	0.543245
FAM212A	7.70212
GOLGA8S	0.24644
RTDR1	0.0489315
KIAA1191	29.7031
ACOT4	0
PEX2	6.47896
ASPRV1	0.780125
DENND3	0.734641
CLDN7	0.182873
LDLR	12.5297
HK2	35.4657
ANKZF1	37.1408
SIRT2	37.7514
LINC00663	1.51639
MED13L	1.61353
GJC2	0.122702
UBE2Q2P1	0.163412
GAB2	2.78325
ALDH6A1	2.34627
MRPL17	42.4341
HMHA1	18.865
NIPSNAP3B	0.412234
PSORS1C1	0.954093
FUNDC2	18.1853
VOPP1	20.9015
ENO1	2086.15
CEP152	0.892438
CHRNE	3.48637
MAP3K1	0.91588
KIFC1	28.8271
AMOT	0.17109
SNORA80	17.1679
SLC17A5	7.83602
MLXIP	4.38611
ABCB6	6.56746
PSPN	0.680571
TAF11	13.6457
PCP2	0.543637
ANKRD12	0.27665
MED15	20.1099
LMAN1	1.77645
UNC119	61.333
GMNN	16.1852
DBI	148.261
MUC6	0.0151848
C14orf28	0.890237
FAM229B	2.21417
DNAJC27-AS1	0.00971213
TMEM74B	12.0904
PI4KAP1	10.4398

RBM33	3.07369
BROX	1.08059
MOB3B	0.374812
HBG1	0
LOC151009,LOC440894	3.39855
IPMK	1.68101
SLC25A40	2.04329
KIAA1432	1.23798
ARSK	0.756206
MGC2889	0.0558901
PABPC3	0
ACAT2	10.5939
YY1AP1	18.2938
SENP7	0.900465
GSTM5	0.0332805
NDUFAF4P1	0
DOK7	0.0381166
RNF38	2.90035
GOLPH3L	5.39504
TNFSF9	16.9212
AR SJ	1.58399
LOC441204	0.054219
MAPK3	63.9337
PRKCQ-AS1	2.89391
DDIT4	222.431
QRICH2	0.817767
TCP11L2	0.313386
SLC25A1	139.09
ZNF700	3.321
IMPDH1	85.8896
UQCRQ	85.9236
DTL	2.60473
CEP78	3.21428
ZNRF1	9.91797
ATP8B3	0.295989
ZNF460	0.379071
ID2	1.48245
LOC388692	0.278302
CCDC170	0.0218897
DDIT3	133.884
ZBTB32	0.103036
TCF19	5.90891
AIP	61.9884
TMEM55A	6.35329
GNAI2	47.9999
SFTA1P	392.267
ALKBH5	41.9203
LOC645166	4.90922
RAB27A	1.51814
CDKN2B-AS1	0.165842
TMEM63C	1.1156
TMEM135	1.99239
ZBTB34	2.33978
CLDN18	0.0252272
FEM1A	14.6336
INTS12	12.8288
NGLY1	14.933
HSPB11	34.2873
ZDHHC18	25.2008
CCNG1	49.2736
ALG14	5.15301
MKI67	8.37252
MAP3K6	1.55177
PGM1	34.0121
ARID4A	0.520729
RMRP	116.318
ZNF674	0.663611
ROCK1	2.20942
HSD17B11	27.8672
SPOPL	1.31889
STX5	28.9102
LOC100216545	1.94519
MARCH9	13.8504
CHRNA1	30.5389
SNORA38	19.214
MTSS1L	13.8845
YEATS2	11.3496
CAMSAP3	12.803
RRN3P3	0.84879

LOC729732	1.246
KATNAL1	0.292832
MAST4	0.466394
CCNJL	5.35079
LEPR,LEPROT	6.33519
WDR41	12.295
DST	0.756728
SPTB	0.659267
FAHD2CP	5.29624
HLA-F	64.8716
RALGAPA2	0.913114
CBR3	13.3976
LAMC3	0.0687821
SEC61G	338.961
RNF216P1	9.36008
INPP5J	2.8686
RTKN2	0.16054
ZNF185	0.157517
SLC26A11	5.33364
C5orf38	5.37456
GAB1	0.25614
ACTA2	2.35535
HSPA1A	2.66041
RNF43	0.0428855
NEURL	6.85826
EXT1	9.8605
CLK1	31.0999
CD40	14.2047
TSPAN14	4.28264
MYL6	750.758
HMGCS1	2.37381
USP28	4.57919
CAMK2N2	53.9766
ATF7	3.24687
PIM1	18.7863
FGFRL1	11.1409
ULBP2	12.4477
SLC7A10	0.158299
LOC100128822	7.52686
ATL3	8.79133
LAMTOR4	266.989
LCA5	0.272124
HDAC5	14.6683
SMIM7	26.3443
TM7SF3	7.96376
EHD4	12.2945
LENG1	12.8443
PTPRG	1.19238
NR1H2	28.7555
MED16	24.4214
NCAPG2	8.24141
GPC4	5.4118
TRIM50	0.0388761
CCDC134	3.71081
ZNF484	0.767804
ZNF81	0.108312
MEX3C	6.68854
IGSF8	12.2545
C1QTNF2	0.982022
SPC24	7.05664
ANKRD9	14.8488
PRICKLE3	14.9039
ADORA1	1.9667
PLCG1	11.5653
CCDC150	0.99534
TPM2	59.826
PI4KAP2	10.4033
C1QTNF9B-AS1	0.223471
RBM15	4.27113
BGLAP,PMF1,PMF1-BGLAP	42.174
BTG2	8.99122
NPC2	232.351
SLC16A7	0.157011
ACBD4	9.88858
TPBG	9.67379
ITPKA	29.3907
PIGA	2.54528
PIAS2	7.92863
MICAL2	3.61888

ERBB3	4.01814
LOC100379224	1.86635
ECM1	1.0156
MMD	2.00947
CRELD1	10.5327
RAG1	0.0601319
ARHGAP23	2.0107
B4GALT3	30.1739
ERCC6,PGBD3	1.3532
FOXO3	5.15026
PHF17	6.42661
SCPEP1	8.84584
NARF	69.2357
BHLHA15	2.23964
CACNB3	20.4628
RASSF4	2.71263
ARHGEF35	1.64124
H1FO	182.33
INADL	1.81286
DCLRE1B	2.35159
CRY2	3.50836
LOC100130776	72.8296
IFFO1	0.0537056
POU6F1	1.41578
NDUFS4	68.7942
MT1F	74.8999
WBP1L	5.02805
ARHGAP19,SLIT1	1.95884
SULT1A2	0.0518709
PITPNM3	0.138913
FAM109A	6.72607
BBC3	56.3549
SMPD1	5.18175
P4HA1	25.6763
SMYD3	20.1641
UPRT	4.20047
LOC729603	0.262591
PTPRR	0.356424
LSMD1	44.7475
USP37	1.1528
UBXN2B	6.05664
PVT1	30.0294
DTX3L	1.7468
PSRC1	31.1766
RILP	18.6205
DPY19L2P3	0.288332
ASB8	4.59075
ZDHHC16	23.5427
TJP3	0.574979
CORO2A	4.76031
POP5	25.4703
PET100	147.592
TNFRSF14	13.4108
KIAA1109	0.733956
FAM187B	0.0547496
RPIA	16.5587
KIF18B	9.52568
LDHA	885.448
C17orf67	1.53012
MOSPD3	38.6724
POMT1	20.9522
COX16,SYNJ2BP,SYNJ2BP-COX	28.6308
LOC399715	0.194292
HIST1H3H	1.8612
FBXO8	3.84854
PTPRK	1.21012
CADM1	4.91721
ZNF571	0.63433
PTTG1	207.947
CCM2	18.3381
DOK3	2.66715
STAM2	1.66926
CCDC124	218.483
MADD	5.66818
CLDND1	23.4736
ARNTL	3.69337
VN1R1	0.202987
HUS1	4.9996
ZNF165	10.6333

LOC100288069	0.949651
CD302.LY75.LY75-CD302	0.371565
LOC100507547	1.95564
MAGED2	32.662
SLC26A6	7.21215
HAS3	0.87733
RHBDL1	0.685813
DGKG	1.80948
LCLAT1	2.72897
POLDIP3	27.8438
SRF	25.4232
TP53I11	11.5158
MOSPD2	0.868957
NUDT15	8.16668
ZFPL1	35.9136
CKAP2L	2.18298
CYP51A1	24.267
AGAP4	0.805179
ECSIT.ZNF653	46.6624
MTERFD2	7.73105
AKAP6	0.0104298
NUPL1	10.3947
LSR	45.2724
CHN2	0.486956
ERAP1	2.21996
PLCD1	3.164
SELK	54.2157
DAPK2	0.688087
HOXB-AS3	0.497942
PPP1R13L	2.60211
MRPL33	119.759
ARID1A	3.92132
IMP3	129.905
CLIP2	14.4528
ADCK2	39.3833
TMEM234	3.83902
CDS1	1.48268
PEF1	34.0912
TMC8	0.0982137
SCYL1	44.0686
GAS2L1	13.5194
KCTD11	14.8676
COBLL1	0.113373
PTPDC1	1.60644
PON1	0.0221634
HSP90AB4P	0.0138768
KIAA0226	2.56077
FMR1	5.05172
ZSWIM1	4.02819
GNAI1	3.21117
FBXO42	6.36126
BCAR3	5.82068
RNFT2	1.74557
GADD45GIP1	209.051
CNNM2	3.3374
ZNF395	10.7419
PDE7A	1.4918
LAPTM4B	1.01323
CNN2	117.182
TMEM185A	5.12914
SLC41A2	0.616663
DDOST	156.016
SOAT2	0.115705
SORBS3	98.0068
NCAPD2	30.8665
PDK3	5.69685
GIT1	36.3133
PPP1R3B	21.3678
ESCO1	1.49413
UHRF2	4.65714
RIT1	4.53636
LOC440894	1.6668
TAB1	11.9711
ELL2	3.05428
ARHGEF28	11.2006
MTL5	1.71025
ACSL3	9.00871
RNASEH2C	19.9475
AHR	0.29623

SIAH2	19.0675
SNX12	14.2312
LOC283693	0.0612203
PLIN2	33.8179
FAM104B	6.21
ARHGEF6	0.280011
HOMER2	0.208795
ARFGAP3	5.60192
MYO1E	5.27853
POLR2J3	2.62357
TNRC6C	0.521078
LSS	14.4667
IVNS1ABP	13.505
CRKL	11.8162
C7orf61	0.319212
ZNF22	8.94695
SLC6A16	0.114432
HEPACAM2	0
KIAA1211	2.12311
ATG16L1	5.33215
C15orf39	5.51483
MARVELD3	1.0635
PRADC1	14.096
STARD3	25.5913
CENPO	3.3737
MLL3	1.25978
TMEM52	36.361
RNF144A	1.99528
FAM102B	1.54842
OR7D2	0.0567822
ZNF582	0.0320179
GRAMD1C	0.647331
NBPF16	4.53937
ICAM1	28.733
EMC9	36.8812
DDB2	19.7471
PCMTD1	2.53598
ELMSAN1	2.62219
SIN3A	4.27624
KIF15	2.28553
CAMTA1	58.8278
GFOD1	0.92802
PAQR5	2.07754
ACADS	46.8568
PNRC1	32.0688
RASGRF2	0.0704086
FAM151A	0.199006
EPB41L1	4.13954
C1QTNF4	0.632565
TMEM39A	3.61682
DDX26B	0.97386
SCRN2	40.2013
ZDHC4	39.2998
UBE2C	310.603
SPSB2	8.58755
DIP2A	3.35299
PRCP	31.0704
KDM2A	9.49517
LOC100129726	0
SCAND1	161.81
RNF34	9.83584
HERC3	2.09715
WDR45B	39.5666
EZH2	17.2158
PGRMC2	14.3131
SNX22	0.420668
STRA13	71.1209
MIR155,MIR155HG	4.98277
TAS2R20	0.173433
STAG3L4	6.30437
GBE1	24.5116
MLL4	5.97549
RPS6KA1	16.7839
PGAM1	400.034
CD79A	0.894626
PEAR1	1.20666
TNFSF12,TNFSF12-TNFSF13,TN	16.2646
HTT	3.59841
ARHGEF40	2.35401

ARL15	1.22198
SAV1	12.6552
TMEM258	500.817
RLF	4.19869
TSPAN13	4.5396
CTNNBIP1	6.89854
LOC389906	19.3535
FAM71E1	5.12228
POLE4	80.1001
MMS22L	0.987544
PRKD2	14.2683
MYO15B	0.318847
B4GALNT4	12.5089
LTN1	1.14597
CD276	22.8174
ZFYVE20	3.28288
PLAG1	0.855963
PDIA3	93.6793
IFIT1	0.0691379
EGLN1	14.0464
FOXM1	21.201
TTC9C	25.9627
AXIN2	0.394764
ZFAT	1.27654
NCOR2	9.47722
EVI5L	6.67328
FOXA1	0.93279
ARHGAP44	2.48742
PRKAG2-AS1	14.3351
RING1	36.1273
RNF213	1.04141
ZNF223	0.798902
KLF6	10.2446
TMEM65	4.56394
MEIS3	57.1956
PKD1L2	0.093843
WNT4	0.323134
IRF2BP1	21.943
ST6GALNAC6	92.4567
SEL1L	3.80726
TMEM59	64.8399
KXD1	135.379
KAT2B	1.41386
C6orf141	1.20567
GPC1	30.4687
TAF9B	7.1629
C19orf10	137.31
STAG1	2.97824
SMG7-AS1	0.037701
LOC646471	0.249322
DGCR6	20.497
LRP1	5.3287
RND1	0.805187
MFSD3	41.9631
TMEM214	24.6318
DYRK2	2.79185
SAP30L	2.51726
TROAP	41.891
LOC100270804	0.450112
CPQ	8.46764
EXD2	3.77306
PRR19	6.72558
GPR161	2.31558
DLX2	2.1434
LATS2	3.59596
ZNF630	0.490875
GOLGA4	1.01052
C6orf89	4.61228
TMUB2	9.80683
SLC25A42	3.76324
DCP1A	3.59575
BAIAP2L1	22.5428
ZNF511	29.4256
CBX4	19.8016
WHSC1L1	4.29134
C18orf25	1.77084
SLC2A8	25.2983
C6orf136	26.4008
HPCAL4	0.906778

RAP1GAP	3.47419
LOC654342	12.7073
KREMEN1	2.31418
RTN2	14.8477
EVI2B	0.0368546
FZD5	2.25194
PIDD	10.5164
CDK2	26.1311
BICD2	9.66502
LOC728613	0.511068
ACER3	1.16113
SHB	8.05379
ALS2CL	5.29246
C8orf82,LRRC24	90.2397
PTOV1	52.5621
UNK	7.01291
CDK6	2.33708
LOC100652768	1.10134
FZR1	23.6893
HEATR6	2.65399
COQ7	3.17786
SLC2A4RG	47.117
CKS1B	161.925
PACSIN3	35.7745
LOC644656	1.80505
BLM	1.93304
EXTL3	13.7171
RAB1B	139.079
C11orf24	17.4219
RAPH1	0.728837
SH3GL2	0.0501407
MICU1	27.9481
DCUN1D2	2.94198
MEX3D	24.0351
SHKBP1	75.3439
DNAJB9	7.74541
MCM3	23.0552
TP53I13	55.0141
PRKAB2	2.87483
GABARAPL1	7.10231
FEM1C	2.79319
ZER1	26.5079
CYP2D7P1	0.352023
CHST6	0.0349702
ZNF493	0.763105
ELMOD3	3.71355
AKAP8L	22.9291
MARCH3	0.263317
PRR14	27.5115
PLCE1	0.0503461
GPR160	16.8465
SERTAD2	6.02137
ZNF433	0.998769
THAP9	0.834555
NFIB	2.39645
BTG1,LOC256021	17.5504
RAET1E	0.0209729
HSBP1L1	81.2228
FAM160B1	1.74962
UQCR10	77.0025
SLC39A4	37.1221
LETM2	3.04367
SLC17A7	0.495647
ZCCHC10	3.92316
LPIN3	2.53133
CRYBB2P1	21.7347
FLJ45445	0.0752309
SLAIN2	3.35659
EIF2AK2	2.31992
AP3S1	40.079
HDAC2	5.83083
CLSTN3	6.06211
PPIB	617.775
HERC2P4	0.811221
ATRX	0.757869
ANKRD20A8P,LOC90499	0.00916733
PRDM5	1.32536
SYNE2	1.33555
LIG1	13.9598

MTMR4	6.26851
GDPD5	6.65581
STX6	5.38678
ACAA2	31.6669
PTP4A3	10.1368
PHF21A	2.90726
MPI	45.1483
WAS	0.206601
CDC26	58.2473
FAM110A	11.1539
ARG2	21.6434
TNPO3	15.5443
C11orf71	8.02896
VPS41	2.93741
TMEM60	26.1881
LRRC1	2.85539
CGGBP1	7.70812
FBNP1L	4.40764
GK3P	0.0383659
MSL1	5.66618
LINC00637	0
COX14	51.2304
ABTB1	16.1141
CYB5B	11.045
ZNF613	1.5411
RGS5	0.408979
CISD3	14.1238
TBX1	1.48867
ADD3	2.57994
AGL	1.57853
TMEM132A	26.4608
C14orf37	1.16557
PFN1	1156.05
CCNA2	17.1798
ZNF438	1.31589
DLG5-AS1	0.757873
CHKA	23.7869
SERGEF	19.6488
OPHN1	1.7264
AP4M1	20.9046
MASTL	5.79144
MUC20	0.0456507
ACTG1	3376.17
NCAPH2	18.3348
NUP85	22.0429
FEZF1-AS1	2.11002
SEPT3	7.41852
SAMD10	3.52843
SMEK1	9.60906
COMMD9	5.80391
BBS9	0.865193
UBE3B	5.74051
TRIM22	0.0398423
TAPBP.ZBTB22	26.6143
PCGF1	19.0245
C9orf40	11.6954
CFL1	630.61
TBC1D10B	21.1099
EMID1	7.78579
NBEAL1	0.0515413
LOC729852	2.57768
MCF2L	1.40932
GMPPB	6.63531
STEAP2	2.2102
LRRC45	7.41771
CCDC74B	0.747047
MIRLET7DHG	0.623274
TP53BP2	10.3713
TRIM2	1.72755
ARNT	4.52087
ZBTB44	2.86515
SIRT1	4.15463
ARHGDI3	0.674945
LOC100288911	9.99287
CARD10	7.24544
PCDHB8	0.891475
TICAM1	14.8736
KIAA1984	0.16097
NUDT1	46.2362

HELZ2	2.24594
FBXL16	23.4526
OPA3	3.15812
YIPF4	15.3571
RGS14	4.30789
PAN3	3.18587
FAM171B	0.12538
LAMB2	10.361
R3HCC1	40.8766
SLC16A2	3.72759
SLC2A3	13.3271
AQP7P1	0
PLEKHA5	1.49245
CENPA	20.4358
PIP4K2B	7.24865
DNAH14	4.10767
TTC9	0.564714
SAP130	6.02757
UBAP1	17.5593
REXO1	14.7328
NMNAT3	2.75213
USP53	0.842147
CDH4	0.00970742
PIK3C2B	1.15428
NENF	130.958
TAF6	36.2587
TAB3	1.59629
SLC25A41	0.834251
APLP1	11.6349
IFI27L1	17.6349
PPIL2	6.79562
RHBDF1	17.3089
FOXH1	8.28101
NCK2	17.3935
C7orf50	91.3664
TTC39C	22.8302
SLC7A9	0.149103
RGS3	6.85938
HSD17B14	26.7913
PRR24	21.4678
FLJ35946	0.258571
HRAS	40.645
MTX3	1.12386
CDK16	41.1349
MAN2C1	10.5666
RABEP2	21.0335
TMED9	157.137
SESTD1	0.347624
DENND4C	2.31134
ZNF331	0.337871
ZNF496	6.74512
SLC16A10	1.09967
UBE2O	8.73918
PPIH	81.7155
ENTHD2	13.3967
MAFF	43.1698
CCDC102A	4.81479
NEB	0.00679654
PARP11	1.13607
XRN1	1.20591
RIMS3	0.735997
MSMP	1.60325
STARD10	26.2455
ELF4	7.47611
NELFB	96.5473
LIPA	10.4836
NDUFB4	254.265
ACTB	1714.87
NCOR1	1.46875
SLC25A10	61.9414
RAB11FIP4	3.76596
RAPGEF2	1.50108
LOC285074	10.997
MYPOP	11.1876
FA2H	1.99821
CYP20A1	1.26071
LAMB2P1	0.403755
C17orf58	14.9076
ZFYVE19	20.3097

SAMD9L	0.053508
ZNF579	37.2312
ZNF451	3.65216
CBFA2T3	1.32891
RECQL4	22.7953
BTBD7	2.62083
H1FX-AS1	0.206119
ZBTB2	4.59828
ZNF680	1.35776
TNIP1	61.6953
HINFP	11.501
ATP13A3	7.21764
LEMD2	28.2262
AGO4	1.62119
COA3	52.4232
SEPT7P2	1.28819
RUSC1-AS1	7.59314
FLJ42393	0.0227428
KDM8	0.537853
AP1G2,JPH4	12.9057
UGCG	6.25152
BCRP3	0.251921
PATL1	13.4722
RFC5	10.9533
DOK1	18.7671
PROX2	0
TRIOBP	9.3561
INF2	38.5246
CMTM3	51.7155
ZDHHC20	3.57218
SERTAD3	17.0003
SPTY2D1	2.4323
CRIP2	23.2618
NTMT1	129.068
DPY19L1P1	0.578912
DUSP16	2.82033
NOTCH2	4.19611
KIF3C	2.23417
HIST1H3F	2.51519
PLXND1	8.33509
COL6A1	16.4761
GGH	42.269
GNB2	420.823
EPB41L5	1.4382
CDKN3	41.3028
SURF4	144.167
ICK	2.11706
CAPN3	1.54451
LOC100132354	0.0228641
ZNF827	0.169718
SIPA1	12.626
SUSD2	0.0651994
PDE4B	0.977736
CHPF	46.5039
MAN2A2	6.46397
METTL6	3.98599
CDR2	7.83707
C4orf52	32.8207
FAM122B	5.19783
KCNAB2	33.7585
GTF2IRD1	19.3932
CRABP2	143.918
DHRS3	0.294041
ANO10	8.16362
ACTG2	0.0403629
MAPK11	12.5049
RSF1	1.78674
ZNF341	1.56269
PDS5B	1.75561
ULK1	5.3528
CTSC	37.744
BCRP2	3.02267
COMMD10	8.12886
COL6A4P2	0.00436398
CASKIN2	4.14524
SETD5	6.68868
EPHB6	0.141042
KNTC1	1.6415
QPCTL	16.9094

NOL3	19.499
LCAT_SLC12A4	22.1118
ATAD5	0.449065
PIK3R3	1.10569
PDE6G	0.0808265
MLEC	18.5851
CYB5R1	23.2269
C4orf46	3.82971
RANGRF	67.257
HN1	114.993
C9orf153	0
TMEM167B	6.99688
GPSM2	1.49802
LOC285540	0.0395573
MYLIP	3.43
BAHD1	10.0341
ENHO	13.7415
PRX	1.25234
NUDCD2	37.661
MTRF1L	20.3406
MGC21881	1.26512
MT1M	179.609
CCDC94	14.9796
CHCHD6	63.3739
KHNYN	11.4093
COX5B	461.857
IRAK1BP1	1.27022
TESK1	23.5885
EPHX1	13.0776
LOH12CR1	4.1171
ZDHC17	2.17993
FAM35DP	0.176325
ZNF699	0.092167
LIMD2	6.84108
ANAPC11	112.896
IDI1	16.4436
ETS1	24.605
CDK10	32.0169
ATP12A	0.0129363
SBF1	8.71182
SNX21	9.92104
ARL3	5.53093
DNM1	7.8998
SEMA4G	3.30494
CAPZB	84.6108
OSTC	67.4048
FLCN	15.1219
TMEM184C	3.51398
RFESD	1.72916
DNAJB1	61.8869
ZNF775	9.26429
ZBTB17	12.7476
BCKDK	108.71
PPP1R12A	4.33246
ZNF169	0.643335
SNX16	3.25422
DNAJB2	35.9958
FAM134A	24.0061
PSEN1	5.80987
RUSC2	10.0224
PROZ	0.14482
NUP210	12.3068
MRPL22	11.8785
FRMD6-AS1	0.263321
ZNF449	0.463408
PRR15L	0.0328736
GSTT1	47.8108
GPX4	372.653
YIPF1	10.5835
DESI2	14.0311
PIK3CD	2.26456
STRN	0.913957
RBL1	0.442993
CHCHD7	18.3684
DLGAP4	24.3975
NEDD4	1.50099
TOR2A	36.8538
LINC00265	3.2531
ESYT2	6.63972

IL12A	1.19522
EML5	0.190789
ZNF628	4.42061
MAP7	4.54124
MAPKAPK5-AS1	9.32537
CUTA	306.999
MAN2A1	0.519038
GEMIN6	32.4257
CALML4	2.08635
ATHL1	16.892
TPD52	26.91
AASS	4.71516
WASH3P	12.3809
PER2	2.05097
ITPR2	0.343903
TIMM8A	9.30904
BIRC5	40.8461
C19orf21	0.510028
CLIP3	0.238517
EFNB1	8.06799
NDUFB2-AS1	1.00199
PRPF40B	0.619785
TMEM191A	0.758971
ENO2	194.9
C2orf27A	0.226825
THOC6	135.805
ZBTB5	2.37615
ZNF439	1.4309
CDKN1B	10.8668
LRP11	4.90251
OPTN	26.4927
MIS12	7.70186
RCAN3	2.41641
STAP2	16.9162
IRF4	0.0782464
PLEKHO1	22.7387
SHD	0.258104
C3orf18	5.5841
GLUD1P7	0.020833
C10orf137	1.86094
PPFIBP2	1.82949
PLCL2	0.982875
GMDS	18.0729
TAPBPL	1.60694
ST6GALNAC2	0.135519
CACHD1	1.06207
PICK1	16.3656
MST1R	3.97655
FAM117A	10.5848
IMPAD1	9.75847
OTUD7B	2.16294
CDS2	4.23074
NFRKB	5.1239
IGF2R	4.41891
HTRA4	0.0229324
ANKRD20A9P	0.0653402
SAMD12	1.59077
ZNF703	5.97304
SPCS2	24.2956
B4GALT4	4.8462
TRPS1	0.530725
MAB21L3	0.149256
YPEL1	2.89024
MIR4763,MIRLET7A3,MIRLET7B,	0.392198
FBXL22	0.0983468
TRAF4	18.6706
ZNF283	1.5873
PLSCR3,TMEM256	265.033
EXT2	18.1116
KRTAP5-1	0.166573
HHLA3	31.4535
SH3BP4	3.19676
SIGLEC11	0.0191957
LINGO3	0
SGCB	2.93738
RNPEPL1	44.1954
ZSCAN16	4.92986
AP1S2	12.6035
TUBGCP3	3.49485

DPY30	53.6957
PKP2	2.74002
HY1	20.2748
C1orf145	0.562558
SCYL2	4.67049
FAM21A,FAM21B	1.76177
RAB11B	84.1276
ZFHX4	0.00894319
TMEM217	0.266
KDM5C	17.9932
ZFAND2A	18.978
LMBRD1	7.73229
SUGP2	6.98081
ABHD13	1.47887
GLTSCR1	2.21396
CTDSP2	21.128
MZF1	11.53
MON2	1.13742
GNA13	5.58643
SNORA74B	0
TAB2	8.33346
SP6	2.22351
DENND5B	0.45268
LOC100130899	5.15748
TMEM79	3.75377
PI4KA	12.4289
STC1	0.0219318
ABCA2	16.7011
STK38	5.27488
GSG2	3.713
ALCAM	5.60524
TCF20	4.32204
CCNK	15.6466
ZSCAN31	1.10129
PPIE	43.3456
LOC100507424	0.816523
SHROOM2	0.48976
ACYP1	14.3911
ITGB5	22.2804
C1orf63	13.2717
PHTF2	2.35079
ZNF639	8.8669
KDM2B	7.8295
MPST	163.507
ALKBH4	10.0919
ATF2	4.2219
CENPN	18.6969
SLC25A26	18.2857
AFF4	3.01784
KLRG1	0.207775
KLHL7	10.4817
KLF15	4.87687
TMA7	450.6
PITX1	28.8151
LOC374443	0.848837
FAM76B	1.5493
GSTM3	14.2095
DAAM1	0.482271
OAZ2	33.1136
MAN1B1	38.2404
LOC440300	0.0920769
USP1	9.4045
SRSF9	267.345
DET1	3.59729
MAP4K3	2.78487
ANXA6	43.6328
TSHZ1	1.36539
ABCF1	12.8984
PTPRCAP	2.10736
KIAA0895L	4.42971
TMEM126A	28.6193
GINM1	13.1749
EPN1	92.8798
USP19	7.34818
HYDIN2	0.00158712
TMLHE	7.03829
KCTD1	2.60819
PLD3	48.9596
SNORA24	34.7807

TXNRD2	21.8943
MLL	0.925215
COMMD1	21.3273
SPSB3	39.296
SPATS2	9.28096
LYST	0.26022
C12orf75	21.419
CHMP7	15.703
ERLIN1	13.8362
C7orf60	3.1813
NFATC3	3.93274
FAM212B	0.858612
UFSP2	10.3403
FARP1	12.2312
C11orf83	15.473
TRIM3	3.4177
EPS8	1.77754
TOR3A	14.2659
ATG9A	21.9465
LMO2	1.9028
THAP11	24.437
NOTCH2NL	5.51101
RNF26	21.5001
MMP15	6.63021
CREBBP	3.26458
SIDT2	2.9241
HESX1	0.471514
XRRA1	10.8346
CTTNBP2	0.5014
NDUFA3	196.499
CEPT1	10.675
LOC100294145	2.0959
CENPE	0.235749
PIGL	4.27478
CST3	203.979
LOC144486	0.145235
CXorf23	0.398989
ST3GAL5	1.29023
CHEK2	11.4041
WDR38	0
ZNF692	20.6805
HIGD2A	248.379
ZNF670,ZNF695	4.75178
C19orf53	131.224
OAS3	1.33802
HARS2	8.86706
GLA	16.9174
MAN1C1	0.114738
PLEKHJ1	110.028
TOM1	17.0466
RASL10B	10.2599
FRG1B	6.83367
HPS1	31.753
PDZD11	17.4866
CD59	14.2034
BANF1	234.887
TMEM39B	17.0687
PAXIP1	5.23526
FUK	4.01617
MIPEPP3	0.435066
PAM	10.018
PCDHB16	1.01609
KIF11	7.91112
SERPINH1	107.111
PAOX	5.92684
RAD9A	3.86875
GSN	31.665
RNF208	47.8256
LRRC14B	0
ZNF792	0.946923
FBXL20	2.19143
DNAJC1	6.25549
MRPS9	29.1268
PKP3	39.0306
CIC	8.631
NDUFA2	101.107
ECH1	119.872
PRPSAP1	22.6375
ZFYVE1	6.2759

COX6C	332.179
ACOT13	7.01481
MCU	6.23502
GCA	2.14101
RNF121	8.92793
ZCCHC6	2.85608
C1orf151-NBL1,MINOS1,NBL1	91.5947
PLXNB2	18.1094
SYNGR2	95.1313
VPS11	9.59844
SH3BGR3	247.062
DICER1-AS1	3.77958
PALM3	10.9901
MBP	3.6582
CASKIN1	11.7112
NSMCE2	23.0255
FOXJ3	8.23941
DOLPP1	16.0234
QSOX1	48.5362
GULP1	1.76222
RERE	3.00351
DTNBP1	22.0022
ARHGAP26	0.443182
KAT8	19.0385
LATS1	1.84305
SMIM4	69.0317
PCDHB2	1.7486
SCRN3	1.72451
STXB2	59.9757
BBIP1	8.40045
PACS2	9.50222
ECI2	26.4187
ANKRD39	18.3995
NFE2L1	20.8165
C17orf100	0.31644
HHLA2	0.0296195
CLCC1	5.58023
TM9SF4	12.9383
ACTR1A	30.1446
PPM1J	19.8669
RPL23AP7	7.43609
OCLN	5.08461
GOLGA8A	11.5311
CYGB	0.177467
C2orf49	9.24779
SDHAP3	3.1731
DNAJB7	0.235036
PRDM8	18.4059
C10orf11	14.3868
TMEM160	56.6729
ORMDL2	20.79
DIP2B	2.81047
EXOC6B	0.308263
LIMK2	8.299
NTRK1	0.0281129
CHIC1	0.849003
SWSAP1	2.1384
PPP2R5D	18.8191
UBE2H	10.269
MROH8	0.0517616
ASTN2	2.90376
LSM3	98.3016
YIPF2	31.6098
OGG1	14.6169
PCNA-AS1	35.8219
SEPW1	173.515
RPP21,TRIM39,TRIM39-RPP21	157.94
TMEM8A	31.9261
FDFT1	55.5844
CHST14	20.8912
SZRD1	36.0139
OGFOD2	7.40857
ELK1	26.304
GNRH1	0.804115
CLN3	23.3532
CECR5	107.541
PKM	1180.18
RBMS1	0.161416
C1QL3	0.277133

TBC1D4	4.3093
PPP2R5A	10.1029
FAM122A	2.70436
IL17RB	2.27369
RTEL1,TNFRSF6B	5.86277
PCNA	60.674
HID1	15.7975
LRRC42	27.2402
UXT	125.143
MEA1	122.641
C20orf111	31.9338
VPS54	3.03032
WDHD1	1.87418
PTCH1	1.55164
OTUD1	3.63036
PRKCQ	1.41871
RELL1	4.83121
BRWD3	0.571178
RALY	42.9216
SH3GL1	64.6974
SAYSD1	3.91926
ESRP2	10.1785
TNFRSF11A	0.704156
LMTK2	3.44076
TPGS2	32.7921
LGMN	26.3299
LMAN2	106.612
SETD2	2.60135
GNG13	0
DEF8	40.5157
BUD13	11.6626
ASXL1	11.133
RAB40A	0.551043
FAM210A	6.19606
AES	194.079
CENPW	63.8812
P4HB	386.826
MAD2L2	121.155
FAM81A	0.606599
TNNT1	153.535
TRIB2	0.602213
CD101	0.292193
CHEK1	10.5591
LPCAT2	1.70627
MANSC1	3.02812
SYNPO2	0
CUL7	5.67992
B2M	737.602
FBXO7	64.9639
POLR2L	166.291
SRGAP2,SRGAP2C,SRGAP2D	4.64852
MAP3K10	8.39223
TBC1D9B	25.7773
PTPRF	20.3701
KLK6	0
CDK3,TEN1	35.1547
ST3GAL1	5.57575
EIF4A2	134.828
IER5	16.0082
LMO7	2.28692
NT5C	140.976
AKR7A3	10.674
MTCH1	29.2217
CORIN	0.135005
MVB12B	6.26211
XPO7	13.4293
CAT	5.38141
SYNJ1	0.630739
NDUFB2	336.089
CCNT2	2.56894
TSC22D4	40.715
NDUFA8	139.745
FLJ38576	0.102606
C12orf23	10.3039
LY6E	417.597
FCGRT	34.5181
TGFBR3	0.366848
RNF181	166.658
BHLHE40	53.9308

POM121C	9.75634
ZC3H10	3.56603
C18orf8	10.2779
ZNF367	2.41475
LOC375295	20.0485
VPS8	3.22134
XYLT2	14.1235
TSSC4	38.8232
HSPA7	0
PTK7	25.0794
IGF1R	2.09884
TNFRSF1A	28.3915
SUSD1	5.29055
STX17	2.75657
EDEM2	10.1871
PREB	40.054
TPST2	15.3954
NTAN1	21.7101
USP32	3.19666
STT3B	6.948
EEPD1	1.44174
SH3BP1	18.4662
OTUD3	1.17741
MCOLN1	8.93123
OTUB2	0.945417
WDR76	4.64054
SLC39A1	113.069
SH2B2	16.5133
ZNF137P	0.228542
ANKRD35	0
NF2	8.19919
SRRD	15.9625
EXO1	4.32544
LOC642236	0.217592
ZNF184	2.24778
BAZ2A	9.34488
LIN7B	3.22285
CUL4B	6.67371
CITED4	86.9761
WDR1	134.346
HCFC2	0.698408
SPNS1	28.6066
PIGO	9.18673
HELLS	2.93273
MIR7-3HG	0
TOX2	10.2438
SNHG11	12.8099
FAF1	27.21
IER5L	26.1085
PMEL	0.910651
MFSD10	166.759
VGLL4	9.33246
GSK3B	4.61569
XBP1	75.0433
TBC1D1	14.4159
MLL5	4.18383
CLMN	1.05182
AAMDC	25.3007
KCMF1	11.1354
KLB	0.0413892
HELZ	1.74977
RTTN	0.856139
WSB1	32.7779
PEX13	3.12826
COMMD4	119.337
ADD1	17.9195
NUDT16L1	26.472
FAM108A1	105.825
PITPNM2	2.51578
DCP2	2.2411
FAM96B	171.635
SLC39A7	41.8911
LRRC8C	3.37489
ZSCAN9	8.05843
LOC100508120	0.572706
LIMCH1	1.51768
INPL1	15.8633
GUCD1	19.9822
AHDC1	1.3263

LRIG1	2.56524
HAUS7	18.9678
LOC728323	0.285269
FAM172BP	0.15305
ZMYM2	1.73549
ILVBL	39.5283
RC3H1	1.15967
EMD	125.89
SCN1B	3.82062
MVK	14.6756
RPL13AP20	2.81706
ROBO1	0.731622
AGAP3	38.7599
PTPN3	5.16905
SNRPA1	45.6139
SNAPC2	53.9741
PHF2	4.51739
HSF1	127.246
TPRN	49.2631
CDK18	8.6646
JMJD7,JMJD7-PLA2G4B,PLA2G4	16.6304
TMEM86B	1.39728
LUC7L	20.1708
IFNGR1	6.74853
NUF2	11.4675
IRX5	0.406058
RELA	54.6531
LINC00116	13.0042
ZNF805	1.04372
PRDM12	1.15508
SHFM1	407.327
CAMSAP2	2.34765
PIAS3	5.81608
YIF1A	66.8547
BUB1B,PAK6	16.8068
OSBPL5	5.12352
ROMO1	408.05
SYNGR3	8.57821
ALG9	3.5638
COMMD7	29.2217
ITSN2	1.30195
TUBA1B	695.29
C2orf72	6.2861
SMAD4	4.07594
ENTPD8	0.102612
TMEM198	2.40812
FLJ45340	3.58826
NDUFC1	199.903
CACTIN-AS1	0.112608
MAML1	5.36087
MARC1	7.80806
MYOZ1	0
GBF1	5.66323
FRY	0.00400665
SIPA1L2	0.340407
TEX264	98.0068
ZKSCAN2	1.07131
PGAM2	0.685807
SWI5	39.1054
TADA1	6.51656
BTN2A1	5.27368
NLGN2	18.528
DENND6A	3.07706
PAR3	18.0232
ZCCHC24	1.33214
CCND3	27.1715
C22orf39	13.2691
LOC731275	0.432748
SLC25A4	13.5205
INO80E	59.2844
LRRC4B	0.809388
ZFPM1	2.53914
TAZ	19.4952
MED13	2.72137
SMAD2	5.71034
DERL2	26.811
LOC440354	0.253717
PLA2G15	9.7541
MAN1A2	0.801101

PPP2R3A	0.888832
TMEM68	9.07702
AJUBA	12.7065
HIP1	3.43402
ATP6V0B	174.098
TAGLN3	0
MIB2	8.43344
PSTPIP2	0.013184
SEMA3B	0.479502
PLEKHG2	5.14751
PPARA	1.15582
HDAC3	59.2466
ZNF654	1.62014
FLT3LG	8.38884
SYNJ2	1.06068
CST6	0
UBXN7	1.93114
C19orf47	7.48064
LAPTM4A	76.5546
SDHAF1	35.6456
C17orf62	33.6052
NRIP1	0.526448
DCAF5	4.80415
GP1BB,SEPT5	7.36946
SBF2	2.1634
TRPT1	65.3439
CHMP2A	101.825
APP	65.3243
PEAK1	1.16581
GNB5	8.00036
SNAP47	19.3574
SLC30A1	2.12754
EAF1	5.43399
PPIG	5.54836
LOC100130093	0.655421
ZNF385C	0.0444688
EGLN2,MIA,RAB4B	49.3267
C22orf32	26.2417
STK11IP	2.34838
FANCC	3.0617
RRM2B	7.76819
C20orf24,TGIF2,TGIF2-C20orf24	77.8853
SERINC3	16.3704
LRRC37A2	0.177383
ZNF330	25.5235
FAM41C	0.272288
C4orf33	4.6754
SMARCB1	82.0939
CRYGS	1.88694
LOC100506844	15.9506
TMEM159	45.3835
MESDC2	6.96771
NCAM1	0
GDE1	20.6186
CTNNA1	25.6064
FAM78B	4.11835
EDEM1	9.32404
C12orf65	10.0447
RHOU	0.281446
CD83	3.06628
MTFR2	10.3121
CREB3L1	0
NDUFS8	179.195
FAM89A	24.5394
NPAS2	7.50545
EIF4EBP2	3.82494
ACBD5	5.84522
NEIL3	1.69659
LOC388948	0
RAD51B	5.20401
TNFRSF10D	28.284
NKIRAS2	14.5705
ANKIB1	2.6837
GPATCH3	7.0993
PIK3CB	2.85506
CPZ	22.1899
TREM2	0.0718739
EMILIN2	0
GNS	8.28552

ITFG1	8.8874
LRRC37B	1.61117
FAM214B	3.64426
RRAS2	18.394
C5	0.315681
TESK2	2.37755
AGPHD1	1.99392
PTPRJ	3.38862
NCKAP5L	6.00046
TMEM2	0.423073
NDUFA9	47.4699
PCGF3	4.4662
GTPBP8	7.69989
RILPL2	26.5032
LRRC20	5.98423
PLXDC1	0.0964849
ARHGEF17	3.12503
ZZZ3	3.32099
GEMIN7	22.2269
EFCAB3	0.717188
HIBCH	2.1491
PBK	26.0696
DHCR24	35.5165
TBCEL	1.37301
COX6A1	590.364
LINC00638	0.340781
HERPUD1	58.2869
FAM134C	16.1102
C20orf112	1.32679
CCNB2	46.1238
CELF5	0.52675
PPP6C	16.0139
CSRNP2	5.55766
GTF2E2	22.6849
MRPL45P2	2.59883
SLC30A4	0.0821449
SOC56	1.99227
USP43	1.08947
PGM2L1	0.391703
ZYX	345.345
TKTL1	0
CDC48	32.5736
NXN	9.8295
SCAMP3	46.5921
KCNQ1	10.6918
HMG2	182.835
FNBP4	8.03977
LOC100132352	5.3547
AXL	195.006
FAF2	9.21698
CEP57L1	1.81749
FAM174A	6.99685
DNAH12	0.0111634
RNF111	2.61636
TRAPPC9	7.13924
SPEN	2.92277
SH3GL1P1	0.298388
ARHGAP18	1.06499
TEX9	0.376238
DIDO1	5.20597
ZNF558	4.46156
SEMA4C	12.9424
NUDT14	40.3115
SOX2	0.0249749
COPE	252.828
KCNIP4	0.230826
GSTZ1	24.9124
LIMK1	17.8965
NEURL3	0
KCTD9	5.89771
ITM2C	96.5123
MTFR1	14.4602
LAGE3	17.0094
UBALD2	100.84
TCIRG1	34.4744
IGIP	0.909647
HAVCR1P1	0.0679516
LMAN2L	6.13108
ARL4A	2.60489

SNRPG	258.932
PPP1R2	9.00495
TLN2	0.963496
ZRSR2	6.04587
HMG2	176.478
CRIM1	8.69267
KIAA0101	25.8198
RRAGC	12.4451
DIRC2	9.81932
CNNM4	2.70915
PDK1	20.6119
CCDC84	15.4415
BRSK2	9.89974
CLIC1	527.757
ITM2B	45.9753
RAB24	27.2576
LSM1	37.4864
RBPMS	27.9568
KANSL3	7.65672
TRAK1	3.45426
TIMM17B	108.828
FITM2	1.01744
BCKDHA	111.064
LOC441155	0.139486
CTSH	16.7677
RCOR2	13.988
ZNF524	31.9773
SNRNP35	9.23918
NUCKS1	15.2421
OSBPL9	14.3655
ZDHHC12	72.6247
SPAG16	6.64671
TMEM11	22.7128
FAM225B	0.375636
ZNF836	1.72983
AMZ2P1	1.99697
HERC1	0.627623
DCPS	31.4821
HEBP1	61.4068
LOC100288198	0.452215
RAB8B	4.50138
SWAP70	5.61157
SLC35A1	6.51389
TMEM50B	6.46447
LRCH4	10.8274
LDB1	15.3375
SDHAP2	0.77262
CAMK1D	3.62098
WDR88	0.0607397
GGA3	10.292
RAF1	17.5376
NDUFB7	233.727
CTSB	45.5784
ZNF2	1.54456
KCNRG,TRIM13	3.6867
NADSYN1	31.3589
MGST2	60.7943
DSTN	53.7441
SOD2	30.5032
CD72	0.43956
GUSB	24.0157
ARHGEF7	7.89294
EPHB4	33.7202
ARHGEF9	2.13021
ARSA	7.36957
ZNF225	0.632472
POLB	22.9095
PPP1R14B	431.008
LRFN3	11.33
B3GAT3	34.5932
NF1	0.996806
BLOC1S3	11.8897
TMEM19	2.69149
AGPAT2	271.65
FAM21C	5.62813
OSGEPL1	1.9807
RAB38	20.5138
UNC13A	0.00984441
CCDC85B	324.486

ZNF565	0.683548
NAMPT	20.4987
SESN1	3.15108
TMEM45A	11.4958
ZNF707	8.94798
MSN	0
PNPLA6	24.8116
PCMT1	51.5363
EHD2	6.4234
PPIC	12.7836
PPP1CA	188.684
FGD3	3.94214
PAQR7	17.5109
GPR89B,GPR89C	0.059724
SP3	5.73541
RFTN1	0.0164306
RUNX1	7.47956
ITGA7	2.36286
TMEM141	157.76
LOC100131347	0.0613786
ZNF254	0.822939
NOTCH1	7.31689
ZNF782	0.573342
MMS19	23.0821
RALGAPA1	1.1683
CDT1	82.7731
TRIM24	3.80956
B3GNT2	3.79604
HLA-J	1.22004
C20orf96	8.14123
LETM1	12.8427
ABI2	7.28309
TNK1	9.96794
GNA15	7.07965
FOXO4	1.16697
RNF10	28.4088
MGAT4B	98.6491
CA12	5.37478
CYB561D2	32.5369
C17orf49,RNASEK	403.585
PXMP2	14.8264
MYO18A,TIAF1	9.24364
C11orf82	2.0219
SLC2A4	0.491614
MIR1291,SNORA34	4.23156
ABCC6	1.06918
ZBTB4	6.73023
ZNF79	4.88114
INO80C	11.1379
ZNF660	0.0489665
APOPT1	25.7517
MRPS34	164.164
C4orf48	57.187
CLCN2	5.90924
TRERF1	2.22319
ING4	7.10667
DMXL2	1.80512
LAMC1	9.24824
LOC100506100	5.08202
SCAPER	2.10456
GABARAP	359.547
ZFP64	5.66975
SUMO1P3	0.033267
QSER1	2.6642
EFNB2	1.02043
CDC42EP3	1.95334
HS1BP3	19.8434
KDM5A	2.15846
MYL12B	577.748
ITGB3BP	14.4472
OSTF1	14.6045
ST7-AS1	3.25378
SLC38A2	33.9004
RNF185	17.5157
FAM65A	18.7828
SOCS7	2.1786
FBXO44	21.2349
ULBP3	2.41824
NEK1	0.968688

POM121L8P	0.283118
VEZT	5.48394
ZNF431	1.89233
SCARNA12	9.78155
MFAP3L	0.215809
PPM1A	3.7447
LINC00240	0.505601
POLR2J	105.043
HYPK,SERF2	148.52
SEC61A1	78.9794
TBC1D10A	14.258
SLC6A8	56.6092
ALKBH6	15.0627
MOGS	41.0342
ACD	39.0816
EMC3	26.3491
BARX2	0
PLBD1	13.6134
TSEN34	51.3929
KIF20B	0.502925
KCND1	0.240371
SPIB	0.0311882
RAB21	12.2136
CEP76	1.66995
PHLPP1	2.72224
MAN2B1	23.0583
SSH2	0.965195
C1orf115	2.71731
NARFL	12.589
TMEM131	4.18486
PHKA2	3.65333
CADM4	10.4147
DUT	35.9914
CDK4	189.801
ABRACL	91.7502
GTSE1	10.609
SEMA4F	3.10042
RNF5	66.5694
LOC100505839	0
RAB41	0
ZFP1	2.11297
ITPK1-AS1	0.0100247
C1orf226	1.51113
C16orf72	8.11358
INSR	2.59078
AGTPBP1	4.91637
ASB14	0.255479
LOC646999	0.0336733
LOC158376	0
RILPL1	9.20916
DNAJB14	1.13727
ABHD6	5.03212
COA6	73.4029
SLC16A3	197.472
SH3TC1	3.35651
HOXB4	6.27263
FAM166A	8.48002
ASPHD1	37.8834
WNK2	5.54146
THAP7	28.0695
PHIP	1.559
CDH15	0.479305
TENC1	0.953775
GUSBP9,SMA5	0.569651
CNKSR3	1.4441
MAP4K2	15.5145
ANO6	8.76966
ENTPD4	3.33408
COL6A4P1	0.0201586
DR1	16.069
PTPRB	0.00722716
DPF1	2.21208
NFKBIL1	44.3514
DLG4	18.9202
LY6G5C	2.08825
OS9	58.3713
SUV420H2	6.92665
CERS6	2.95137
EBF3	0.0633077

LRP6	1.02918
DCTN3	98.3042
PTPRN	0.131307
DGCR2	16.4005
PLEKHA1	4.00301
KLC4	5.25168
USP46	1.0993
CIT	4.13304
CD99L2	6.22038
CHRD	1.75109
ANGEL1	5.69448
RAD21-AS1	0.0800384
STX7	5.19889
PDXK	16.7308
MLLT10	9.3651
PTPN23	7.57743
FNIP2	0.29406
MAP3K2	1.44421
KIAA1161	0.851716
FBXW5	144.019
VEZF1	6.25959
ATN1	37.8987
KIAA0195	9.74899
LGALSL	5.29154
FGFR1	19.6987
FRS3	4.4839
CHCHD1	70.2208
MON1B,SYCE1L	9.11586
ZMYM5	4.38527
SETD5-AS1	3.71752
SERPINA10	0
SDF2	18.0574
LIN54	2.00274
CLDND2	0.154173
SLC52A2	108.543
SUDS3	5.84103
ENDOV	10.3931
TSPAN9	2.32605
DAG1	9.14622
DALRD3	34.4042
SIK2	1.8403
NFKBIA	19.1294
MAP7D1	36.8544
TRIO	2.2988
NUSAP1	32.7166
LOC96610	2.56515
HOXB8	3.12592
RAB40C	16.9345
SLC2A13	0.375253
HDAC8	10.0204
SELM	382.272
LEPRE1	15.7755
JAZF1	2.23648
RPS19BP1	135.772
MTMR1	3.38424
MTMR3	3.67461
IFITM3	336.201
VPS37C	13.4087
SMCHD1	2.89028
DNAH1	0.15881
SLC25A24	4.03641
MED21	5.33397
RICTOR	1.63502
BTBD10	10.2986
RRAGA	59.4947
TMEM14A	20.6677
LOC388796	124.036
SBK1	3.87324
TUBB	462.2
STAT3	7.64061
IL17RC	13.3753
TUBG1	39.7973
ATP5I	741.489
LINC00852	0.415683
PTMA	1052.01
RFX1	3.02283
WWC2	0.814229
TXNDC11	7.99794
ARF5	306.775

RALBP1	14.0979
CKS2	462.623
ETFDH	2.68653
BLOC1S1,RDH5	111.283
MRPS7	37.9332
MCC	0.0213904
RBM42	61.161
CRAMP1L	1.97598
LRRC16A	1.40172
ORC4	4.31115
C4orf21	0.465569
HSPB1	822.616
NAA60	21.6679
STK25	73.2352
PAPD7	10.7751
ULK2	1.46908
ZGPAT	11.5439
POLR2J2,UPK3BL	45.5508
SDR39U1	47.744
OFD1	5.13652
APOL4	0.0127383
RHPN1-AS1	2.28712
C1orf131	4.10555
FXN	9.10794
MYNN	2.22139
NDUFB11	123.441
MAP1S	21.4978
RPN2	68.7243
RB1	4.64772
TRAF2	38.6371
SPOCD1	13.4358
SAMD1	47.1227
TP53	26.0827
POLL	24.7497
FSBP,RAD54B	3.84499
TRAF1	0.918033
PROSC	27.5917
RAB12	11.8746
SRRM1	16.6358
GPR108	37.7308
CYP4F35P	0.309533
NECAP2	24.8887
PIGN	2.87782
H2AFV	40.7759
LOC440288	2.28859
CNPPD1	46.9979
DSN1	7.76758
NUAK1	0.906247
MRPL48	23.2164
ZNF519	0.357091
CAMK2G	5.32314
PSMD6-AS2	0.119722
SOX12	19.6224
MELK	10.7706
ZNF384	14.9648
LZTS2	51.5292
BHMT2	0
TTC21B	1.58513
HPS4	6.13823
KAZALD1	2.72528
NCKAP1L	0
SLC35E1	13.8806
CEL	0.58547
ILF3-AS1	5.64675
CTU1	13.853
GLG1	15.6523
DEPDC4	0.29256
LPCAT4	26.2859
ATP5E,SLMO2	691.006
KCTD10	9.83554
ORAI1	35.154
KIAA1522	12.8999
IDH3G	65.5199
SH2B1	13.1247
ADAM21P1	0
PIP5K1B	0.0443825
FAM114A1	4.23332
FAM46B	0.494409
KAT5	9.75464

FAM104A	12.6394
BBX	1.9925
PRMT2	18.3696
FLJ22184	13.1269
MRPL43	88.0207
C7orf49	17.7234
PPP1R13B	2.59335
OSBPL11	1.32071
ATP5J	158.597
STIM1	8.04734
CCDC42B	0.200056
ATRAID	106.136
NAB2	39.8485
AQP11	0.652965
DGAT2	5.1841
MRGBP	38.3619
C1orf27	2.74765
RNF8	5.69783
AKR7A2	35.8175
ATG12	9.26547
RAB15	9.94067
DIP2C	2.02192
GRIN2D	18.3882
ZMPSTE24	7.75451
SRSF4	43.6987
CEBPD	27.646
FURIN	19.8449
RAP2A	3.26705
TDRD7	5.50027
ZNF219	19.5608
SMIM11	18.4014
PNPLA7	1.80883
KIAA0319L	7.0079
TXN2	96.2484
ZRANB3	0.487987
DDX59	5.27415
TMEM183A	34.6186
GALT	14.451
ATXN1L	1.91608
PLXNA3	4.44528
RAPGEF4	0.0660793
NME4	76.1253
TSC1	3.94488
TMOD1	0.912595
BOD1	37.9882
PGM3	4.28627
CNOT6L	2.337
FAM195A	114.17
EXOC1	6.63882
PLS1	2.37794
PTCHD3P1	4.86074
ZNF212	7.60675
HDDC3	16.7977
DSCR3	14.9828
GTF3C2	11.7636
PAFAH1B3	102.177
DYNLRB1	165.747
B3GAT1	7.25624
SGSM2	8.14635
MT2A	6101.48
SPRN	2.39626
MTMR9	1.08149
CCNF	9.68027
NTHL1	34.6597
ZNF483	0.179928
LPPR2	18.2997
MITD1	19.1215
C19orf60	55.9153
TCEA2	0.0980565
UFD1L	26.2747
HLA-A	1064.01
MANBAL	56.2282
TTC31	5.18002
DAD1	205.186
PCCA	1.10285
PHLPP2	1.32149
PIGH	15.7438
AGXT2	0
TPRA1	50.401

SLC24A6	9.94799
ADNP2	9.73366
OGFRL1	14.4027
KIAA0040	1.68545
CDC45	34.6252
LAMTOR5	139.205
RPS27L	73.2451
KCTD21	1.00026
MGST3	75.5093
SCIN	0
HSD17B12	25.9987
PPIL3	14.7795
CLEC2D	0.514346
GET4	43.4608
SNX25	4.62059
MAST2	17.3773
SPTBN1	8.06699
CRTAP	32.4021
ANKRD49	5.33879
NPC1	10.2784
PBRM1	1.69691
LMCD1	0.0648765
SSNA1	201.36
TEX21P	0.0791875
LLPH	46.8691
HDAC10	9.83865
ELAVL1	16.2731
SSR2	311.956
CBLB	0.504351
ABHD10	10.9022
CTSA	51.5336
TMEM97	20.5736
SEC11C	28.7171
ETV4	64.9618
TCF3	30.0769
DCLK2	0.60898
CPT1C	3.9847
CTIF	10.3745
DHPS	48.8753
SNRPD2	577.409
FKTN	3.741
EEFSEC	14.8043
REEP3	3.67479
ST3GAL4	20.4773
UBR4	5.22756
ANXA11	63.2964
ARRB2	89.1555
PICALM	23.1381
NRIP2	0.180782
C2orf43	3.27232
SH2D3C	0.133801
TOX4	11.3314
GRIP1	0.420553
C1orf21	2.15024
DOCK11	0.789057
ARHGEF39	6.82523
C3orf52	5.76602
PTTG1IP	74.8964
GMPPA	29.5506
CAB39L	3.18916
SCML1	3.05457
TMEM42	12.7643
TMEM251	24.7565
SLC35A5	3.34063
NUCB1	98.9312
UNC45A	30.6229
HMG3	24.0058
POC5	4.19521
TMEM238	23.066
RHOC	272.79
GAPDH	7927.64
BRSK1	9.29382
BRI3BP	13.0598
HNRNPU-AS1	5.7205
CD40LG	0
SPIRE2	8.50076
C4orf36	0.341658
FOXRED2	9.21139
VPREB3	0.595211

TNK2	8.55352
RELT	10.2318
KIFC2	11.3885
CANX	76.5752
BATF3	25.0539
MPC1	16.5914
GNAZ	3.37816
ASIC1	5.92306
POLG	13.7354
GABARAPL2	121.3
TRAF5	3.77161
PPP1R35	78.1021
FAM76A	1.08897
CHST12	11.1772
ENY2	36.9153
FAM98B	4.73724
MMAB	6.59166
SLC9A3R1	52.1572
MCM10	3.2393
VPS26B	15.5684
CYTH3	4.7342
ZNF229	0
GEMIN2	9.73335
STAU2	6.63377
HERC6	2.52703
CELSR2	2.03627
SGK494	0.554135
SQRDL	10.083
MED4	13.3485
PRKD3	1.90525
SNPH	1.45002
HMGXB3	15.1983
LIPT1	7.30499
IKZF4	1.07841
GCOM1,MYZAP,POLR2M	9.98351
SEC24C	10.4742
AGAP8	0.812839
ALG1L	0.231863
ZNRF2P1	0.807685
TOMM7	345.513
PMS2P1	11.6224
AUP1	175.634
ATP9A	2.8756
METTL14	2.83316
RAB26	8.4615
LOC100507140	0
MARK2	10.041
ARL5B	2.87226
PERP	27.4597
ZNF282	26.2923
NCOA2	0.308414
HBP1	5.2316
IFI27L2	202.18
PAWR	16.9177
CENPJ	1.18903
AP4B1	5.69841
MCF2L-AS1	0.885703
CLK2	14.5858
C12orf45	51.0055
FXR1	6.57721
QRICH1	16.7547
AMMECR1	1.32966
EPAS1	2.12331
WARS2	4.96085
LARP1B	4.87388
SIRPA	3.4224
RAB3B	2.97585
PRR5L	1.4016
CCDC88C	3.51018
NPR3	0.00575869
TMEM63A	4.95256
MALT1	4.53464
HOXB2	21.3157
SNUPN	18.7351
ATP6V1A	6.21736
RRBP1	14.9836
ZYG11B	1.44718
IFIT2	0.0630405
DERL1	27.9319

ZNF177,ZNF559,ZNF559-ZNF177	2.41531
GIT2	6.42978
UBL5	520.173
DAXX	34.2413
MINK1	17.1631
TRIM38	1.82729
NEDD4L	7.74275
C9orf37	6.49616
DNAJB11	20.7323
CIB1	175.198
SPR	72.2003
KLHL15	1.20263
RAB2A	24.4341
CLCN5	0.651481
MTRNR2L8	32.176
IP6K1	9.27679
TRPM4	7.06585
BNIP1	16.3688
NDUFA12	99.2376
SHISA5	93.2173
FNDC3A	4.6542
SMC2	3.73214
PDSS2	2.07112
C15orf62	0.368924
SPAG7	34.2104
ADAM20	0.0127913
ISOC1	7.87433
ZNF48	11.9879
PARL	44.9385
SGSM3	14.7262
TMEM161B-AS1	2.21229
TMEM30A	11.567
STX2	3.94956
BAG4	3.98098
MRPL18	69.3609
ABLIM2	0.518965
C17orf59	15.7243
LSM7	251.12
C9orf96	0.0774581
CNN3	63.8557
MYO19	12.8927
IDH2	49.8728
USP39	28.5416
TULP3	8.52574
ZNF275	2.97334
TRMT13	2.30139
RNASET2	53.1327
PPDPF	558.334
WASF1	3.11707
RPA3	16.7003
KDM4D	0.308872
TP53INP2	6.06078
DBF4B	6.59953
C10orf76	3.8995
UBE3D	1.59786
ARHGEF3	1.26568
SLC11A2	6.76959
AKT2	15.4128
CCDC38	0
RGL2	24.165
WDR24	6.09945
RAD1	4.74223
MKRN1	41.7417
SH3GLB1	8.869
VAT1	177.199
CHRAC1	27.6832
C10orf35	22.3672
R3HDM1	4.10886
WDSUB1	5.90586
TRAF3IP2-AS1	3.49339
COPG1	38.2812
PNPLA8	1.85312
NIPBL	1.26369
FAM173A	79.6264
ZNF354B	1.46578
CNST	3.51392
CD320	255.574
PRKX	5.29137
LCMT1	38.361

COO6	17.4402
HIPK1	2.28531
TOMM6	128.239
PSMF1	36.3498
HSPA4L	2.15273
CKB	6.57229
RCAN2	0.0479579
EXO5	3.82334
NDUFB6	56.9881
GUJ1	259.795
RBM7	11.6152
ENPP4	1.37539
MARCKS	11.3668
RDH13	10.0717
PHC3	1.61253
RPL23AP82	4.44966
LOC100129518	0.194857
OSCAR	1.91213
MRPS22	41.6911
DGAT2L6	0.0276847
KIAA1804	3.04676
MED20	3.70806
RPN1	73.9688
ELL	11.5941
CREBZF	5.94597
B3GALT4	0
PCED1A	15.0381
PIGC	10.9668
DDX50	27.9481
PARP6	6.74419
VAMP1	2.51656
RBM23	24.3474
BCL6	3.64022
PTAR1	1.51776
QDPR	31.0149
EMC10	32.6655
CINP	22.8493
MCM8	1.92146
AIF1L	39.4657
ZBTB40	2.48603
CDRT15P1	0.405236
ADAMTS2	0.105314
ZC4H2	3.38942
SNX3	125.784
FAM220A	6.6269
DDX60L	0.336217
HECTD4	0.759157
DOCK8	0.368913
RGS16	4.15955
SAC3D1	44.415
TPM1	51.767
STARD9	0.378501
C21orf2	4.55929
POLR2G	120.169
BCL2	1.53999
KLHDC3	46.7896
LRRC1	1.02687
MYBL1	1.16916
SAFB2	11.7515
SPDL1	3.53023
DHRS11	11.1929
TAOK1	3.59868
TXNDC17	31.7268
AMPD2	30.7472
AIRN	0.0118261
TTLL4	6.09505
PRG4	0.0509576
NSD1	2.00193
LAMP3	0.908562
GOLGB1	1.35727
CHAF1B	7.36073
SIMC1	10.4313
SHMT1	15.5191
ZBTB3	1.19752
CCR10	21.7686
ZDHHC8	10.8195
HYAL3,NAT6	24.4723
HIST4H4	0.963649
TKT	314.879

NME3	71.6835
DEPDC1B	7.81453
ALDH7A1	13.959
APOA1BP	140.254
ZBTB41	0.438407
PPFIA1	5.94794
KIAA1549L	1.13218
TNFAIP1	12.0937
RDM1	2.17235
ONECUT2	0.388319
FTSJD2	8.91291
VPS72	37.1284
ZC3H12D	0.012015
MED1	4.83345
PTPN12	8.38839
NUDT18	13.5717
VAV2	15.0293
WDR47	1.79663
ARL8A	25.1377
PRTN3	0
CENPI	0.558443
PRSS56	0.210575
LDLRAP1	8.64176
YPEL5	16.3406
AIFM2	21.1883
PCOLCE	16.4087
RAD23A	126.771
PLCD3	16.2554
SPPL3	13.297
TBC1D17	10.4125
DCAF7	26.0977
FMO4	0.31475
CD3EAP	2.05087
MPLKIP	27.8195
HEXB	66.7308
C14orf159	6.83258
DUS3L	41.8165
ANAPC16	23.787
SUFU	3.99723
TLE6	5.24929
SLC1A1	2.02318
ETFA	96.1415
FAM98C	51.1401
NDUFA6	59.4585
TRIM45	0.383001
KCTD7	1.41797
AAAS	22.6097
ENTPD6	33.345
MYO5C	0.589326
C7orf13	1.02113
GLTPD1	20.294
GNPDA2	3.80832
LCORL	3.26984
FAM89B	31.9362
CDK5R1	2.36768
JPH1	2.74408
MRPL14	120.855
ZNF525	1.12773
RAD51C	20.0828
RSBN1L	2.72289
ATXN3	1.63876
F12	34.3492
SEC31A	6.22346
NIPSNAP1	70.5922
THAP3	27.0923
UQCRC2	91.2221
MMP1	0.178254
SRI	65.1541
ATP5SL	27.4954
ZNF845	1.25627
KIAA1009	0.180404
ACOT8	18.5666
PROM2	0.149079
ZMYM3	5.29914
NELFA	37.9448
NUMA1	17.7194
PPM1B	8.69469
PINK1	17.5427
BFAR	19.2044

PIF1	6.09649
MSRB1	24.2453
NIPSNAP3A	6.02984
TAF10	135.751
CKLF,CKLF-CMTM1,CMTM1	52.7149
LIG3	5.57483
CCDC126	1.14984
RND3	5.91389
C9orf129	2.1252
KLC3	35.4969
ASCC2	20.7904
IMPA2	24.1837
TBC1D15	5.36204
RALGAPB	3.18249
ERLEC1	11.6645
SLX4	1.5222
TYMS	15.5867
MOB3C	4.69025
NHLRC2	1.13723
TNIP2	47.9947
ACVR2A	0.722421
ZNF740	6.87209
B4GALT7	32.5365
ZNF75D	0.987387
SEC22A	4.10884
NBPF15,NBPF16	6.13822
LOC100506060	1.16935
ZNF92	1.53288
IRF2	4.92913
SNX2	24.8988
MYH9	58.9822
GTDC2	8.17587
REEP5	25.3015
SLC25A34	0.208835
EXOSC10	21.6048
LRRC6	0.734506
IL11RA	0.548221
VAMP3	20.4679
TLR6	0.676425
SNX7	10.2146
C11orf30	0.634956
CLASP1	2.7719
N4BP1	2.6648
RANBP9	9.93939
NCS1	48.4539
METAP1	29.1347
PARM1	1.29647
ZNF780A	1.92363
CCDC69	3.2167
COG2	5.86489
ASPM	1.39509
AGPAT1	33.0793
ACTRT3	0.911234
RALGDS	46.9602
CFL2	12.2643
RNF40	14.942
VPS52	8.23548
MRPS14	10.6823
TTC33	1.61378
PIN1	91.1799
SERHL2	0.0818446
COQ3	10.7359
DPP3	14.7726
FOXD4	0.98416
NAGA	11.7006
CTC1	2.48227
FAM83D	16.1426
WIPF2	4.30426
RBM41	0.769125
SQLE	17.9875
IRF5	25.7844
FN3K	32.7852
SOS1	1.94986
ELF3	0.0315747
CHRNA7	1.26302
FBXL4	3.38489
ZNF592	3.22525
RBM6	12.2853
LSM2	114.24

TRIM62	2.60772
EFCAB4A	5.30761
PLP2	424.447
BCKDHB	7.13855
SCARNA18	4.98728
SDC4	44.7014
EIF4E3	2.85394
MRPS5	38.1437
FBXO18	19.8095
CNTROB	12.8844
HMG20B	109.309
TUBGCP5	4.37838
ATP5H	291.264
ARID1B	2.88063
PGBD4	0.384063
PWWP2A	5.63472
KLHL24	2.63477
TMEM259	72.1643
UPP1	568.691
MRPL28	109.381
STEAP3	15.2341
SLC44A1	9.21032
PRKDC	9.24735
MAF1	205.806
GPR153	4.53511
TUBB4B	805.852
C19orf24	124.016
PCDHB9	0.332434
NR1H3	3.90188
FAM172A	1.98851
RBKS	2.44078
SUV39H1	8.68328
MSTN	0.0262475
METTL21B	2.89952
RHOB	29.1202
RTN3	46.8865
COG3	2.47666
GTF2A1	3.382
ISYNA1	4.76305
AP2A1	25.7444
GPX1	694.383
DVL3	17.0823
NR1D2	3.36449
CMC4.MTCP1	13.4791
SMG7	8.47965
C4orf47	0.692446
CDSN	0.0916561
MTSS1	1.85399
PPP1R15B	8.25204
LOC284889	1.95792
NDUFS5	359.56
BTBD6	45.4472
NCK1	6.87438
FKBPL	5.44855
SCARB2	20.4613
ATP10D	0.812511
WDYHV1	13.0565
MRPL42	12.2902
ARHGAP29	34.9698
SIRT4	1.80119
ZNF266	8.32473
DDX17	67.3814
MED30	32.1867
MCTP2	0.535187
CA3	0.601739
CLPTM1	40.0098
CENPM	34.6027
TSKU	15.4145
DOCK4	0.387023
ORAI3	15.562
PLEKHG3	12.0786
ACSF2	6.03906
HNRNPH2,RPL36A,RPL36A-HNR	1770.76
LOC654433	2.9323
FBXL3	5.43417
USP25	4.05983
CEP350	1.14121
LAMTOR1	94.2303
FAM3C	17.3229

NDUFB1	180.887
MIR497HG	1.33605
MYH11	0.107283
ZNF335	5.80614
IKBKE	2.64486
TMF1	2.84056
ATP6V0E1	208.634
MED26	5.67876
RNASEH2A	62.067
CNTRL	1.73273
IKZF5	3.53845
ZNF280D	2.85132
IFNAR1	5.33013
SERINC1	16.1824
PCTP	8.4541
WHAMM	5.12678
FCHSD1	10.1442
NET1	7.04753
ACAA1	37.3424
LOC285033	1.60029
SMNDC1	45.6521
HHAT	0.391062
SUCLG1	50.4399
EMP2	2.99244
MAP2K4	6.00768
HNF1A	0.430478
ARHGEF10	6.15133
RPL13	918.653
ZNF516	2.63705
B3GNT1	8.168
FAM118A	5.5145
UQCRC1	225.822
USP31	1.75484
PXN-AS1	2.77985
SPINT2	2.06246
SIGIRR	44.4103
GPATCH8	4.62761
PIK3R1	0.901508
BAI1	0.442858
ARF3	39.5188
PCDHB13	1.7658
CNOT8	25.1791
NMRAL1	37.4214
CCDC163P	0.919191
TRIM68	0.923148
GPRIN1	5.27041
LOC100288778	14.7681
TMEM219	114.608
SUMO2	320.568
CNOT3	17.3743
ARL6IP4	199.554
SNRPE	58.9001
GOLGA5	6.54726
RABIF	2.61758
PTPN18	14.4328
RANBP3	23.0992
HOXB5	2.14598
TATDN2	7.53729
TSPAN12	1.3691
UBE4B	5.30686
HECA	4.25533
BNC2	0.701972
GRB2	36.7283
PSMC3IP	22.9481
SLC19A2	9.05639
ZBTB7B	11.0107
LRP4	1.29418
TBRG4	69.6574
C5orf30	4.43992
EXTL1	0
GOLGA6L5	0.180814
BCL7C	97.3031
ZNF236	0.787986
ZNF205	20.2153
LRP3	33.8114
OSBP	14.4942
C8orf48	2.38836
ABCB7	14.9807
PMS2P3	1.01694

ATG4D	20.1879
IMP4	131.929
TMEM199	7.41604
POLR2H	230.791
LEMD3	3.14794
SLC22A23	1.68162
SNX17	44.731
ZCWPW2	0.0432652
PLXNB1	3.73234
ZDHHC6	14.891
FAM105B	2.1132
GUSBP9	0.105864
SPON2	0.349798
KDM4B	11.2362
OCIAD2	253.037
JARID2	2.04211
PEX14	24.2827
TANC1	1.81349
LMNA	83.639
GLT8D1	13.6935
VAMP2	26.1265
C3orf33	2.9439
BCL2L15	0.0491313
DNAJC25,DNAJC25-GNG10,GNC	98.5102
PARD3B	0.285545
C1orf159	13.1151
TBCE	5.19412
CCNB3	0.453741
ASAP1	12.452
GPBP1	12.9694
TSEN54	30.1807
ZNF737	0.450786
PIGK	3.02263
MCM4	31.5699
RASSF1	22.7481
MYEOV2	220.281
CWF19L1	11.4109
PIGS	16.4086
LOC100335030	0.305518
PCGF5	10.2261
ENOSF1	12.9037
TRIM33	3.23419
POLR2C	48.7419
MIP	39.039
SEC23A	4.22975
BUB1	17.1794
PSMB3	297.893
ZNF544	4.74529
MED18	12.6511
TTN	0.0198626
ATP6AP1	66.0306
PPM1D	1.92961
COMMD6	65.7182
C2orf88	0.880716
STRN4	45.1652
G2E3	0.956781
ARHGAP21	4.24408
INCA1	0.402725
CENPP	1.88441
NDFIP2	6.05922
ZNF317	9.38907
IMMP2L	11.9673
SMAP2	12.7433
GALK2	9.06005
UBN1	5.49861
NDNL2	15.8474
FAM168A	1.64926
FKBP8	273.53
ATF1	6.23956
METTL22	6.35446
CPVL	13.2599
ZNF383	1.82647
GOLGA8I	0.0242268
CTBP1-AS1	3.4913
PKD2	17.015
NCR3LG1	0.250416
SEPT11	12.5395
CASK	1.33259
KPTN	3.30481

ZNF445	1.06588
CNTF,ZFP91	6.18683
BTN3A2	6.673
RASA1	3.19333
CSTF1	12.7386
DCAF15	30.2897
CFD	26.0775
C12orf44	72.9331
CSTB	265.844
IL16	0.0281414
UGP2	14.2201
MDH1	91.5671
WFS1	11
CDC42EP1	128.549
HDAC11	9.33905
C5orf54	1.42982
MRP63	28.8291
KDELR3	10.9779
FZD7	3.17797
RGP1	1.24169
POLR1D	276.074
NUP54	12.3861
PLCB3	21.6008
MAPK1IP1L	10.0007
C7orf55,C7orf55-LUC7L2,LUC7L2	44.5586
NGEF	12.1157
NBPF14	2.34729
TRIM8	35.2676
TIGD1	1.61993
RBMS2	7.6246
ZNF687	6.47142
ZFH3	1.15432
SPCS3	13.6236
ISY1,ISY1-RAB43,RAB43	20.439
GBP3	1.75379
FANCA	6.06377
FRS2	1.62629
KIAA2026	0.518542
TTYH3	19.02
C17orf51	2.75794
SYPL2	0.0151656
SIVA1	143.886
NAGLU	19.3547
OXR1	10.0588
E2F3	4.39183
LOC654433	2.9319
FBXW4P1	0.237415
MTERFD3	3.43191
MRPS6,SLC5A3	57.9192
WWTR1	2.06758
CASC3	25.8838
SASH1	1.19875
STX3	14.0487
LRPAP1	15.3271
DNM2	41.9895
C11orf54	4.66361
RNF135	6.06942
SCAF4	9.34386
CALU	26.383
SEC13	71.9815
TMEM87A	8.63336
MAPKAPK2	32.2638
LOC100130275	1.75258
ESPNL	0.0501911
DOK4	12.8283
TMEM180	5.72074
RAPGEF1	17.9022
PPP2R4	160.672
COQ10A	12.8702
PIK3R2	25.1873
SP4	0.63417
TACO1	16.7693
CUX1	22.9224
SYTL4	0.666357
ZMAT3	2.58574
VKORC1	368.169
FAT2	0.0147717
LPIN1	7.31102
F8A1	5.82924

ZP3	13.1092
NDST2	6.03923
LOC150776	7.52824
IPO8	6.76726
SLC25A29	43.1606
SRRM2	37.7114
LSM10	61.2593
IL18BP	1.03319
MLL2	1.74441
CNIH4	132.07
CCDC6	10.319
NDRG3	5.80946
HK1	66.5712
RFC2	27.0303
UOCR11	78.2907
PTEN	7.90973
PLEKHM2	35.4311
CEP135	1.30918
NDUFA13	599.511
CDYL	7.22218
ZNF230	0.845174
C11orf35	1.64778
DHFR	10.8672
HIC1	5.98689
UIMC1	11.2641
GALNT10	1.8742
PARD6G	2.39359
DYRK1A	4.77055
IRX2	9.06454
DUSP19	0.435037
NOD1	1.38916
C19orf25	37.2659
LTBR	43.1258
OSGIN1	19.8258
SF3B5	279.466
SRRM5	0.728112
INO80D	0.515642
ZNF771	13.3418
USP4	3.44463
SLC27A1	5.1237
WLS	35.0639
WWP2	11.647
NBR1	22.1413
WASF2	18.2196
RSRC2	19.3876
CDC25C	6.27813
SUPT3H	4.00349
APAF1	1.37639
PRPF8	35.3575
AURKB	93.006
MARCH2	12.9142
DYM	9.70421
ZNF623	4.7909
WDR83OS	192.099
SHPK,TRPV1	4.13986
FUT4	3.25473
BOD1L1	0.5147
NBAS	7.27883
ARPC3	283.053
ANKS1A	4.06145
CHST15	8.11241
MYH14	5.12712
EIF1B	65.5592
ACO2	20.8708
MTF2	4.77736
SELO	23.3634
DUSP4	0.438497
MC1R	1.73338
POP4	12.4905
PLIN3	67.5229
MDP1,NEDD8,NEDD8-MDP1	292.471
TUBGCP2	20.8912
PBX2	26.5835
AASDH	2.0538
ZNF428	11.795
GABBR1	3.01013
PCBP4	42.0405
LRRC61	42.4664
CDKN1C	11.6303

RAPGEF6	0.985618
ZNF345	0.315311
NUDCD3	11.8964
CYB561D1	3.55458
TRMT10B	2.81221
BCAN	3.12796
SMG5	18.9407
RALB	19.1501
ZZEF1	1.89767
B4GALT1	7.90525
CNOT4	4.93994
GSE1	5.49262
OR2A7	0.568875
TGFBR1	6.11114
FAM211A	2.76878
RAB8A	27.3252
ZHX3	1.83607
FAM171A1	14.4496
UBE2Q1	20.349
MLXIPL	4.5172
SLC7A7	0.207485
TTC17	8.35959
NUTF2	253.674
RIMBP3C	0.0254513
ORMDL3	15.4951
MLLT1	27.2662
ACOT1	3.22296
GTPBP1	12.458
HDHD3	30.5977
C9orf123	28.9503
POLD4	27.6745
PGPEP1	7.41815
COMTD1	53.3078
FBXO25	15.9378
CALM3	74.2845
SOX4	7.96844
RPS19	5859.43
CC2D1B	4.70624
IER3IP1	39.4543
PPAP2A	9.46577
FUCA2	39.5283
PEBP1	155.492
HOXB9	23.446
ATG13	11.5536
SCD5	13.0671
MFI2	30.7342
TMEM51	4.80178
GTF2H5	3.78866
ANO9	0.0706889
SLC35B1	41.5565
ECHDC2	9.52437
DBNDD2,SYS1	229.499
MARCH6	9.24216
RMI2	6.45031
PLXNC1	0.56322
DRAM2	20.955
IKKB	12.5247
GNA11	7.40017
GEM	1.6823
APOOL	2.07683
PRKRA	19.0979
CCNC	22.6759
SPRYD7	5.41375
DNAJB5	3.42227
ADIPOR2	10.5768
CDC45	13.2399
PIGG	5.58826
C11orf63	0.54602
TP1P2	0.228617
SRP72	19.844
PAK1	19.5241
NEU1	83.6071
VT11B	71.4303
RIN1	53.9671
COPS7B	21.2122
SNED1	0.360647
CEP85L	0.546761
ALDH3A2	6.76977
DHX8	6.48473

ZNF468	1.95069
SLC50A1	38.1525
NAF1	8.85206
CDR2L	16.0194
ARHGAP35	4.17647
LIMA1	3.83732
PDCL3	14.6078
GSTP1	901.065
CECR2	0.0400182
NSFL1C	19.3028
TBC1D26	0.0783717
MBOAT2	4.69688
UNC93B1	33.2957
JAK3	1.07407
KRT18	215.61
NCSTN	22.7579
NSUN5P1	8.39112
TRAPPC1	140.184
TAF8	5.124
UCKL1	31.5033
OTUB1	57.4192
SF3A2	119.316
PTBP1	130.387
PTGDR2	0.999433
ARHGEF10L	5.77317
TOPBP1	6.00223
DEDD	19.6471
ZNF410	17.4908
MEGF9	0.89034
EXOC4	16.8613
FLNB	9.05515
KIF4A	6.69272
CMC2	56.1869
DDRK1	87.3706
FOXI3	0.0850106
ZFP36	17.4149
LOC100505865	0.0515796
SMAD7	2.38427
RIOK3	10.3272
HMGCR	5.70215
GLIS2	14.9578
KLHDC8B	8.16607
ADPGK	17.4194
GTF2A2	26.4212
HOTAIRM1	13.0269
UBC	544.267
KIF1C	19.7142
FBXW7	2.55903
TONSL	21.5053
MXD3	30.3307
NSA2	158.13
TIMM10	65.438
POM121	11.0004
MPDU1	49.9111
C1orf35	29.3291
ITGB1BP1	27.8056
GATSL3	3.73543
FIZ1	6.72082
HSBP1	52.7271
KIAA1549	1.33804
TMEM126B	39.1352
TEAD4	49.9921
SEZ6L2	24.5206
MRPS31P5	1.93843
FAM57A	23.856
ZNF506	2.06081
GDF11	4.55655
MORC3	3.34439
SCAI	1.06962
TNRC6A	1.30703
COTL1	227.379
C16orf59	8.78171
ABCC2	0.136806
TANGO2	9.89862
HAGHL	88.0419
UBIAD1	9.23537
RPL23A	2539.72
ZMYM6	1.58344
MT1DP	4.9569

GIN51	6.38324
PARVA	3.54342
LRRC37BP1	4.03548
ACVR1B	6.00392
TRMT112	431.692
RPL36	5998.92
EXOC5	2.79386
LMF2	46.9106
FANCI	6.4054
HMBS	23.5651
ACTR1B	76.7815
RBX1	62.2867
SKP2	5.65129
LOXL2	0.502161
NDUFA1	285.065
TMEM44	15.2087
GMPS	43.0817
DGKA	8.75035
JAK1	13.4428
DPH1,OVCA2	112.496
TBCC	16.7354
MXRA7	42.5088
NRTN	8.87021
LSM4	144.855
MRPL23	116.849
XPO6	30.0419
SIRT7	21.2583
STMN1	174.327
ANKH	3.75556
WAC	25.0929
PEX7	7.80926
AAGAB	12.0278
C11orf80,RCE1	24.1007
MYO1B	8.7527
SEC23IP	3.00958
CDKAL1	2.91373
FDX1L	32.1674
HN1L	20.187
TRIM52	1.54908
EIF1AD	10.9432
CAPN12	15.2532
CELSR1	0.0420972
TNFRSF12A	580.776
AP5M1	4.28271
GNB3	1.6993
CCHCR1	8.32829
STX10	95.7062
RPAIN	45.7292
CBX2	5.65849
ARID3B	4.12519
DLGAP5	7.43244
MARC2	4.52718
CXXC1	20.8858
KDELRL1	268.443
PRR13	84.6905
CBR1	41.2198
PNISR	5.78673
MYO10	5.53445
TBC1D13	17.5394
LRSAM1	14.5122
DNAJB12	15.6807
DDX24	32.8867
YKT6	31.1235
FBXO45	3.43257
LRRK1	1.28427
LRRD1	0.0398646
GTF3C4	4.71778
MRPL16	61.0306
ELK4	4.18696
CYFIP2	8.97729
ZMAT5	31.5921
IQCC	0.957495
TMEM222	37.9909
L2HGDH	2.76434
C8orf44,C8orf44-SGK3,SGK3	2.21862
ADI1	20.2826
SYVN1	15.9641
EFNA3	31.9491
THOC1	8.65583

GAS6	22.294
C19orf45	0.62019
AK4	13.7373
CREB3	29.5245
XAB2	34.2552
TAF4B	2.00374
ANAPC2	26.1968
SMC4	6.30066
VASP	60.2964
ENOX1	0
DCBLD2	2.54625
HES4	88.155
PRRG1	2.0481
RAP1GAP2	6.55398
STOML1	4.46045
CTSD	168.929
TRIM21	6.30132
TMPRSS5	0.230708
FKBP9	8.81597
E2F2	1.57482
FUT2	0.186102
SF3B2	80.4985
PLEKHF2	5.85162
ZNF823	1.65511
ECHS1	138.425
MBD6	13.0905
ASB6	38.8027
TACC3	38.4101
AKTIP	6.43576
SH3GLB2	149.957
MAP3K13	8.48584
RNF7	56.8705
RBBP7	40.1649
DNAJC4	18.3454
KLHL18	4.84431
DDX11-AS1	0.881435
RNF214	4.25799
SLC25A23	32.5898
SCARB1	54.3177
COG4	10.0853
KLHL11	0.367799
LPGAT1	4.5951
LTK	42.1253
IDS	10.5059
CES3	5.19123
PLEKHG6	0
PCYT2	14.0809
TLR3	0.156534
SYNRG	3.42867
CDK5	33.0246
MAPK1	10.1861
TWSG1	7.3311
TTK	5.52507
ZFYVE28	5.07636
POFUT2	8.27455
ITFG2	4.0724
TMEM43	16.581
MYADM	41.2841
LOC283922	0.343066
BCAS3	2.72818
PI4KB	17.7295
TFAP2C	0.242964
KCNH2	19.5022
PHC2	133.854
CCDC91	4.65672
QRSL1	5.01312
MATK	1.16664
DPP9	14.4109
GALNS	9.96597
NANS	127.599
PLL	1.01231
TUBGCP6	4.84004
SDHA	51.7395
TTC28	0.443301
HRK	1.8855
SCNM1,TNFAIP8L2,TNFAIP8L2-5	12.2287
OXSM	19.2084
PDXDC2P	2.26659
DDX23	19.9557

HINT1	744.88
GCDH	26.5835
RP9P	9.27862
PPM1M	9.69596
ERBB2	14.7244
PACS1	18.3946
PSMD13	109.561
MTDH	27.6644
ADIRF,AGAP11	47.4483
MAP3K14	2.57145
ZNF576	6.01603
ACTG1P4	0.0473991
ATP8B2	0.651536
NDUFA4	66.9009
ECE2	47.9999
PTPMT1	17.1659
SLC6A6	3.33908
SIX5	13.231
RTFDC1	47.8708
SEMA6B	17.8524
NIF3L1	21.2903
WBP4	3.90805
PTRHD1	49.6446
SQSTM1	233.225
TRAIIP	6.37626
VEGFA	27.3499
DHX37	13.6851
CDC14B	4.27199
ARFIP1	5.52348
VMP1	67.7023
ZBTB18	2.04292
AKR1A1	136.615
APEX2	22.1442
COQ9	28.2873
PTCH2	0.163121
DVL2	33.1629
RPS18	13360.5
GCC1	6.69895
FRYL	1.1673
CCDC53	21.0745
SMG6	11.2257
EPOR	4.80999
HELQ	2.17483
GALNT18	32.7686
ANKLE2	13.2433
DTL	5.52225
TCEAL3	13.5467
TMED10	22.9808
RPL30	6886.78
ZMYM6NB	31.9274
SUMO3	29.6805
ZNF578	1.54772
MKKS	13.5974
RPL32P3	2.20818
TINF2	15.1351
MINPP1	7.21849
SLC25A36	14.4035
NT5C2	7.02475
ZNF800	2.66435
DOC2A	14.5336
CDIPT	55.6428
RAD51D,RFFL	13.3831
SNIP1	3.57329
YWHAZ	234.487
NUMB	10.735
POGK	14.4847
ZNF408	10.522
NUDT9	6.8541
SETMAR	4.71548
USP2	0.495585
MIF4GD	25.3217
ZNF833P	0.473004
C9orf174	0.428069
PAPOLA	22.8898
THAP9-AS1	12.5823
BOLA3	78.2583
HAUS4	42.2462
LOC100286793	0.640373
SHC1	132.833

FBXL12	11.8171
HDAC4	0.553995
TMED4	35.3667
SRPK2	9.15151
NOMO1	12.5135
LAMTOR3	4.87142
CNPY4	1.38899
DIABLO	40.5712
MTX1	45.171
RPL18	3596.33
LGALS3BP	34.7931
PAFAH1B1	13.5107
NBEA	0.00338513
LOC100507118	5.89125
SP100	15.4675
PBX4	1.48284
SDF4	82.9688
RBBP6	6.45904
IFITM2	551.062
COA1	50.9251
COMMD8	9.61774
FAM222B	5.12563
EIF5A2	1.21254
FBXO10	2.68125
C1orf112	3.07625
SNX27	3.39572
TGFBR2	0.853527
ZDHHC5	17.2661
RSRC1	3.50659
KDM5B	7.27668
C11orf75	14.7481
METRNL	60.6468
GIN52	22.635
PPFIA4	0.0722896
PHF3	4.74804
ZNF527	0.827016
AHCYL2	2.31788
SGOL1	3.6157
GYS2	0
ZNF688	6.11446
MIA3	3.75029
LRRC41	31.8455
TRPC4AP	39.8094
HES7	12.8371
TGFB111	59.6898
FUT10	2.91965
MSH3	0.434403
ATG4A	1.62897
DGKD	4.20342
CHKB,CPT1B	13.6819
FAM53C	13.9303
LOC728392	0.549194
PML	15.8253
PTPRU	11.8881
HSPA13	7.16001
WDR33	10.9394
HIAT1	11.9586
USP6NL	3.09202
LRCH1	2.76571
ACVR2B	1.44636
TMX1	17.7951
PHF10	17.9793
NUBP1	15.5831
FZD2	5.29809
LOC550112	7.01813
INO80B,WBP1	76.0512
XPR1	1.72681
SCAP	26.5304
IRF3	61.4812
CCNDBP1	10.3292
TIRAP	1.85661
PAFAH1B2	18.3385
DUSP3	22.9842
VIMP	42.2269
DMPK	13.4237
CERS2	80.5607
NHEJ1	7.93923
FGF8	0.986326
IP6K2	53.5705

PRSS3	56.7139
TTC28-AS1	15.9065
TLK1	6.42707
MUT	5.48547
KBTBD4	6.23767
ATG5	8.0053
ZBTB6	3.17115
CAP1	74.0473
GSTK1	128.974
MFSD1	10.0716
SPHK1	229.326
PPP3CA	1.82423
UBE2V2	22.2904
HIST3H2A	43.9254
SNHG6	1076.71
MOCS2	16.853
COL27A1	4.16046
SH3BP5	6.13894
NR4A3	0.222062
DCTN5	6.04441
ARMCX5,ARMCX5-GPRASP2,GF	2.90832
KIF2C	33.7959
ATP2C1	13.4523
DCBLD1	0.650931
NOTCH3	0.0572756
ZBTB37	0.23929
PPP4R1	8.83982
TPPP	1.08327
AEBP2	1.74818
MIR600HG	0.806279
CWF19L2	1.80047
BNIP1	0.304398
INTS6	1.78959
AP5S1	5.07025
CBFA2T2	2.25859
PIN4	12.2437
PIGU	18.3541
PHF15	3.49551
CHURC1,CHURC1-FNTB,FNTB	25.362
FAM160A2	8.85263
ARID4B	1.25527
LSM14B	23.127
HDAC1	63.6147
MIER1	5.87418
TTI2	5.93376
NAT14	2.1289
DLG5	4.43398
DDX19B	11.3085
DDHD1	1.30445
RNF24	2.443
ATL2	11.0764
CDC42SE2	4.98492
MTRNR2L2	48.8636
IQGAP1	7.93368
SEMA6C	1.80282
NUP205	16.4744
MARK4	12.4409
PTRF	58.9252
PCNX	2.80033
UBL7	53.9727
ATP5O	340.276
TRMT10A	0.603872
MSL2	5.41089
OARD1	12.0348
APBB1	15.7477
ANKRD19P	0.875894
TBX3	1.47068
EID1	23.9074
PRRC2B	20.3421
SLC38A5	172.544
MECOM	1.81738
ZNF322	3.80745
TNKS	3.59608
ZBTB8A	1.72405
ADRA2C	17.674
SRP14	205.835
HCFC1	8.01496
JRK	8.05262
FAM133B	11.8765

LRRFIP2	8.49193
ZNF142	2.51749
EIF2B4	28.7401
TMEM208	82.2322
PPP1R18	64.5541
GXYLT2	0.583907
GNPAT	16.99
SPOP	13.3018
NUMBL	9.58169
CSRP2BP,PET117	18.2355
KAT6A	3.23562
LOC100132247	2.06008
SOGA1	0.51646
LOC100287177	26.8617
ARHGEF1	42.0732
SAMD8	3.5378
TTBK2	0.410405
EIF2B5	21.3919
HGS	89.058
CDC7	2.1889
ATF7IP2	1.53321
PEX6	7.08981
PLEKHM3	0.376674
SFI1	5.91013
IKBK2	12.2243
COG7	5.22672
HNRNPL	170.693
ZNF213	8.53903
CEP44	2.2853
ZCCHC3	15.5702
DOCK9	0.885421
CENPT	16.4354
CAPRIN2	19.0945
MFF	28.5064
SMOX	18.5944
STX4	46.9469
DKFZP434I0714	1.01046
ARL8B	21.4046
DYNLL1	341.378
NPIP	44.4007
ATG3	33.5747
C5orf15	10.3849
LOC338799	2.06656
DOCK6	12.0169
HIRIP3	8.66687
ZNF768	53.3925
GATAD2B	5.95366
TBXA2R	3.3617
MND1	38.9337
LSM6	25.0343
SRP54	8.71395
ABHD12	37.8096
ANAPC1	6.50961
SRP68	41.4345
CDC73	4.98473
ERV3-1,ZNF117	0.763218
TGIF1	49.2596
ADPRHL2	33.942
MBNL2	2.88135
CEACAM19	12.1021
INPP5F	4.39562
ANKMY2	5.30145
ARHGAP8,PRR5,PRR5-ARHGAP	35.051
KDEL2	53.532
BCL7B	45.4452
RPE	5.85963
PCGF2	43.9546
TSPAN33	28.598
ATXN7L3B	15.3613
DLG3	6.85432
PLCB4	0.553131
ELL3	1.33694
JAG1	1.28243
FGFR1OP	6.61813
KRIT1	4.62045
SUN1	15.3409
PKIG	22.2985
MAGED1	19.3849
GPR35	0.451782

GOLGA2	22.4274
CAPG	139.304
CCDC92	2.97818
MGC2752	12.2299
GNL1	13.4748
POLR2J4	0.797235
SARNP	43.7294
RPS5	5137.4
AUH	8.24327
GPR3	4.78158
INTS3	7.41409
EGFL7	211.094
DNPEP	47.1566
ASB16-AS1	4.39721
MBD3	66.7644
COPS4	25.1163
HNRNPUL1	57.5269
PQLC1	38.9623
SKAP2	3.75567
UBAC2	21.819
AGO3	1.28305
SUPT20H	10.2175
UQCRB	54.8321
CLSTN1	26.2516
ZNF600	4.52454
TMEM54	139.62
USF1	20.1437
CHCHD4	17.3448
IFITM10	0.601323
CLPB	6.12237
CEP120	3.28721
SLC29A3	6.43573
CKAP2	14.6574
PIGT	58.8483
ARFIP2	9.34444
STIL	3.77922
SYT5	0.0426471
ATP5L	147.888
TUBG2	12.502
DBF4	6.21002
TMEM158	28.304
STRN3	5.40065
FCHO2	1.74023
RNF146	7.4377
TMEM109	28.4182
FAM201A	3.1985
VPS13B	1.543
RHOD	78.9201
IFNLR1	1.60801
POGZ	5.14994
FAM115A	7.52591
PTPRA,VPS16	29.4592
ARRDC1	98.3837
PSORS1C2	0.0605965
TLE1	6.00269
CEMP1	9.08149
SRR	0.735081
ACPL2	3.43642
THAP4	89.2425
PPP2R1B	6.17402
MSX1	18.8833
EXOC7	26.4185
SLC9A3R2	38.9973
DAB2IP	6.04705
THAP1	6.56629
FOXD2	1.47504
HARS	40.5587
MPV17	46.1873
UBN2	1.25101
ACRV1	0.104307
RAB17	0.0298862
DDX11	10.908
TELO2	26.3377
IMPA1	9.44152
APLP2	73.8876
APC	0.838954
GAK	19.4816
WASH7P	9.46877
WDR34	125.892

EIF4E2	42.7832
CCDC22	18.695
ADIPOR1	49.4485
RPS21	7463.43
ZBTB24	2.80648
SIK1	12.647
TMEM201	8.09443
METAP1D	1.2631
EFTUD1	15.0849
TRAF3IP2	4.13234
MED11	22.6912
PHKG2	6.34992
EPB41L2	13.4403
MSANTD3,MSANTD3-TMEFF1,TI	75.1113
ANKHD1,ANKHD1-EIF4EBP3,EIF	33.8242
TMEM243	16.0378
RB1CC1	5.32462
SLC39A11	4.20114
RNF44	9.04024
RBM4B	10.2306
GNG7	1.85979
MCEE	4.36774
CTRL	1.23255
DGCR8	5.1959
AKAP13	1.50374
TLK2	4.73131
CTDP1	11.0053
ARHGAP5	2.39277
SART1	25.0754
MAPKBP1	2.24965
SLC4A1AP	7.07353
UBALD1	46.8635
ATP5J2,ATP5J2-PTCD1,PTCD1	732.674
TUBA1A	38.398
CHDH	3.92624
NINJ1	57.9789
TIMM9	54.5712
METTL2A	10.4671
CYB5RL	0.40865
C8orf31	1.17272
LOC100134229	4.9755
FAM73B	16.7158
AEN	26.1556
PRC1	19.751
CIZ1	110.608
RABAC1	137.896
RPAP1	7.44642
MED22	46.578
DDX41	41.4465
SLC17A9	17.7324
NUDT3,RPS10,RPS10-NUDT3	5929.55
TCAIM	6.33064
BRMS1	50.3959
KIAA0930	11.1926
DONSON	10.0022
RWDD2A	2.75767
RNF216	9.36683
BDP1	0.828482
LOC100130581	0.753273
RPL41	14181.7
TRIP10	45.1571
TGDS	6.4403
PACSN2	15.9025
SCARNA9	5.6239
CCDC136	5.99384
GDI1	48.2503
PTPRN2	2.42166
PDE6A	0.00747101
FYN	6.54758
ERBB2IP	6.28046
ATP13A2	19.5802
HABP4	14.8553
EMC4	90.4178
TAP1	23.3864
MCM2	28.8295
MPPE1	7.89065
LOC100289495	0.229372
C9orf89	61.3183
RPL26	6113.07

SMCR8	2.2193
IGHMBP2	6.11758
POLH	2.17869
PRKCA	0.939649
DNMT3B	1.56768
ANAPC4	5.81678
ZNF561	4.4704
TMEM223	15.2818
MAFG-AS1	6.47408
SPICE1	1.11002
MNAT1	20.5306
PITPNC1	6.23967
BRD2	33.3167
GALK1	49.5933
CWC25	6.34931
FZD1	1.14463
LRRC57	3.40191
PFKP	85.6214
CYP2R1	9.95697
ELP3	11.1778
WRN	1.69739
BID	32.2978
TRAFD1	10.1682
JOSD1	20.2347
ZNF454	0.0757537
CCDC153	0.501993
CISD2	6.85827
PHF12	3.76137
HIST1H2AG	2.24191
CDC34	135.539
DBR1	4.07616
CGREF1	20.3139
SRD5A3	4.1259
R3HCC1L	6.79002
KIAA2018	0.508881
MCRS1	33.198
JOSD2	55.9499
MFSD6	1.71683
FAM178A	3.30256
USP24	3.15881
RNH1	110.27
C2orf69	4.0034
FBL	540.374
DOPEY2	1.58914
SLC27A3	4.62779
PPP1CC	98.9127
SSR1	8.85058
TMTCS3	0.961305
ZNF609	3.64976
LOC100129722	0.275056
CXorf40B	15.7912
SLC25A38	50.6608
SWT1	0.777323
FAM131C	25.4288
DTYMK	73.1263
IL4I1,NUP62	23.0542
CHMP2B	16.6489
EPC1	4.92307
UHRF1	15.4165
SEMA4D	6.8142
PDE2A	0.0704164
C2orf68	4.04035
ARHGAP12	5.39562
UBE2D4	3.79114
LOC100287015	1.89118
TSR2	24.4239
ABCD3	8.74325
TYW5	1.55227
DYNC1LI2	7.39409
EYA3	4.17742
MUL1	16.5339
PUF60	207.007
CHPT1	13.9721
WDR81	13.5466
GMIP	15.3199
MAPK9	10.4151
TRIM26	14.3546
DIAPH1	10.6448
SLC6A13	0.512785

PCNXL2	1.19025
METTL18	4.53143
KCNK1	15.5083
ZNF787	88.3712
PCDHB7	0.457911
POC1A	18.8698
UVRAG	1.46383
KIF18A	1.39335
PPP1R7	59.4001
C7orf31	1.73105
ATXN7	1.80566
FAM91A1	10.8246
C7orf10	0.3421
WSB2	20.6728
CYB5R4	4.10423
SIL1	37.1672
FBXO46	15.3543
BLOC1S6	9.94575
MTIF3	34.5937
FASTK	49.6831
SH3YL1	6.36576
RPS29	11321.1
EIF3H	599.021
CRLS1	16.8326
BDH2	5.60748
PPM1K	2.81177
A1BG	0.465737
RPL37A	10999
FAM3A	15.4993
TMEM64	6.63888
PILRA	0.74513
MAZ	138.404
LOC100132707	0.51391
TMEM50A	33.8232
GAREML	8.11295
CAPN1	87.5632
RNF215	18.6349
NR4A1	15.7551
KIAA1468	2.22195
PLA2G16	72.2932
C8orf37	0.448205
YIF1B	23.1415
CBX8	13.889
DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P11	0.388626
CLEC11A	199.626
RCOR3	3.58082
ABCF3	20.0331
LINC00630	0.182177
HCST	2.92334
FGD1	10.3219
GZF1	2.37619
ZNF84	3.94197
TMEM245	5.34416
AGO2	19.4738
C11orf1	18.0287
RNF114	33.8348
PARP8	2.31426
DGCR6L	73.5655
LOC645212	4.80794
ORC2	3.11925
LRP12	3.62324
ZNF436	1.41903
EDC4	14.7362
ARHGDI1A	266.929
YBEY	19.6863
DCAF11	16.9106
MAP1LC3B2	3.7031
FIGNL1	2.64795
ZNF8	2.3488
RAB11FIP3	15.7697
GPR155	0.2683
PDRG1	29.2027
SLC35A3	2.31548
H2AFZ	440.252
SDCBP	74.0093
PPP1R26	19.7212
TMEM102	25.8237
RPS16	5798.39
FSCN1	159.319

OAZ3	2.93874
SNRNP48	3.60163
KLHL23,PHOSPHO2,PHOSPHO2	6.98702
MAP2K1	44.5507
NXT1	34.7842
NHLH2	0.569664
MOB1B	1.72017
SLC9A5	4.4106
TMEM51-AS1	0.0795801
POLR2E	82.1547
TAF1A	3.93665
LRP10	41.0293
MRPS2	296.204
SDHAP1	0.865534
DHX32	12.9427
THUMPD3	10.6827
HIC2	1.47309
ZNF675	1.41995
PCDHB14	2.94122
SAFB	36.8289
SP1	7.27038
TEKT4P2	10.2005
NOS3	7.64336
GATS	1.52855
MRPL37	184.897
TGOLN2	12.0224
RPLP2	7200.39
SDHC	34.1759
ZSCAN26	6.1426
NFX1	7.09995
APH1B	3.90794
RNMT	8.173
LITAF	25.4687
SLC25A11	70.0607
ABCA7	1.86956
TBCB	79.1604
AKAP10	4.10516
YTHDC2	1.98059
APPBP2	3.26001
EXOSC5	156.999
C2CD5	3.80105
CENPF	3.03003
UBE2L3	42.7766
PIP5K1A	25.4267
SPSB1	15.6635
SLC25A51	3.17114
CTDNEP1	112.842
UBR3	1.75241
FMNL3	3.47441
TARBP2	23.5693
C19orf70	107.602
DNM1P41	0.257469
CAPZA2	44.5036
SLC25A27	1.377
CTNBL1	25.2535
PFKL	58.8911
BRPF3	4.24126
LIN37	9.80249
ZRANB2-AS1	0
MALSU1	57.3296
RPS8	5775.38
AFMID	18.8782
CNOT1	16.2193
CEP85	5.50158
TM9SF1	17.0904
UBE2E3	48.594
PPP2CB	40.3138
MCPH1	3.13556
FAM13A	1.33833
TSPAN6	16.0365
C22orf29,GNB1L	14.7139
PGAP1	0.715672
CDC37L1	6.2703
BTBD9	1.32138
RBM5	22.6018
PILRB	41.3486
FER	0.847817
WDR91	2.20465
TMEM62	8.69574

LPIN2	3.85582
PKN3	79.9266
SETX	3.83651
HOXD-AS1	1.99168
RBBP8	4.4803
MBNL1	6.44816
RFX7	1.92676
NMB	34.4055
COL13A1	2.93337
ZNF419	2.69253
MEF2B,MEF2BNB,MEF2BNB-ME	14.4296
INTS9	10.7539
SCYL3	0.597862
TBKBP1	6.31626
ING3	6.3689
SHISA4	12.4178
CD81	334.349
ROCK2	0.97741
PDS5A	7.65486
MED8	19.7397
CEP57	10.4415
DNAJC28	0.270948
BSDC1	18.3296
ARID2	1.91197
CCDC97	17.0201
STK17B	2.95871
RPL10	1894.81
CBFB	16.3478
ASXL2	0.3971
RPL11	4398.31
FICD	0.701896
LOC100507463	1.22141
CXCL16	39.3145
ADA	19.8871
TOP3B	7.38021
PRDM15	0.819579
VPS29	53.5114
GLTSCR2	776.474
KAT2A	34.3938
SLC33A1	4.19871
RAB14	21.1166
METTL17	36.9627
HOXB6	7.15052
GGA2	8.91777
HIST1H4B	0.552481
ZNF23	7.36515
RNGTT	3.01
UST	2.71902
CCDC115	15.952
RPL39	8910.84
RWDD1	38.4799
SYNC	28.6772
C14orf93	6.53075
WASH2P	9.03356
LOC100499227	1.05339
ZNF714	0.397824
MTRF1	2.74288
RNF4	16.1149
TP53INP1	1.57284
DLEU1	7.51852
FAM120AOS	19.2951
SERF1A	0.105468
PSMB1	227.782
DLL1	5.7934
LINC00514	0.354162
TPRKB	51.5431
RGS19	24.1818
ARPC4,ARPC4-TTL3,TTL3	121.558
TCEB1	61.4536
GANC	0.412857
LGALS8	7.5574
MARCH8	0.731037
UBXN6	154.534
CCDC85C	17.5025
BRK1	86.2057
SEPT9	38.0551
ZDHC11	2.85846
NPB	1.95926
ZNF271	3.52509

TMEM104	2.09282
LARP7	7.08006
NAPEPLD	2.24514
FLJ46906	4.97558
PQBP1	90.7645
SPIN4	1.31624
RPL8	12197.2
ZNF138	3.16087
RIC8B	1.67497
UBE2I	79.2937
MCTP1	4.34732
PRDX2	537.321
TIMELESS	5.94381
SLC3A2	224.955
SKA2	18.4621
SMG1	2.54214
BMPR2	0.648523
TCEB2	492.708
HOXC13	0.438209
C12orf52	22.922
LOC100130744	0.614121
RPLP1	10830.9
HTATIP2	35.8377
ARMCX6	32.8951
KIAA0196	11.2266
ZNF462	0.927325
C6orf57	13.1948
IKBKAP	4.51781
GPN1	25.5937
ARMCX3	8.48857
DGAT1	32.4333
NAPA	45.3714
DENND4B	9.55281
EIF2AK1	28.9844
TNIK	4.64096
RAB5B	10.9267
CLOCK	0.663472
EIF4A3	69.997
RALGAP1	0.873647
C14orf101	3.66572
KIAA1524	2.33752
CROCCP2	20.0556
FCHSD2	4.21887
LOC100507217	38.2853
FYCO1	2.54383
UBE2T	45.0284
COPRS	112.317
MED24	20.731
FANCE	15.4039
CHAF1A	10.9824
ANLN	9.47669
MFSD11	3.43928
MRPL54	77.2089
QTRTD1	5.88307
LRRC48	0.191398
OXR1	8.46347
PSAP	224.788
FAM200B	3.83975
CDC42	73.4865
M6PR	71.7289
RACGAP1	16.8389
ZBTB80S	14.5496
SLC4A3	3.85392
RPL18A	5814.26
SIRT3	11.2005
ORMDL1	21.436
FDXR	42.1432
CCL5	1.26553
PPME1	41.0713
DSG2	9.55448
SUGT1P3,TPTE2P5	0.344974
ARAP1	13.8477
YME1L1	25.0792
NEDD1	3.79988
DNAAF3	25.1665
DCTPP1	97.7668
DANCR	114.024
EEA1	0.828658
PUM1	9.25056

ENGASE	3.89157
USP13	1.63388
INIP	5.02616
PLTP	9.37983
EPB41	3.56002
SIRT6	30.3251
NCOA1	1.87047
TMEM99	10.9203
TSPAN31	7.94132
HEBP2	52.5304
ZNF133	5.95294
HAGH	41.2561
BLMH	15.9393
UHMK1	10.1624
BRMS1L	1.97682
UBE2Z	43.7227
FIBP	86.7645
TMEM167A	7.6533
SFXN3	32.6746
RPS13	3699.7
PPP4C	156.751
ADAMTS13	3.20073
MRPS15	119.547
SPATA2	4.55352
HJURP	17.029
THOC3	16.5709
USP34	2.87199
GNG5	291.299
HAUS5	5.35295
OIP5	11.8757
TMEM192	3.5682
KIAA1919	0.581494
KCNC4	4.1971
MRPS36	23.0032
SCMH1	13.9921
KIF2A	5.38806
KLHL2	2.5656
MMADHC	77.3459
SETD7	6.60186
GCLC	5.90617
SLC7A6	4.72223
TRMU	19.4643
EDEM3	0.841438
MZT2A	382.283
HECTD2	0.584277
GLMN	4.86754
MYRF	3.52882
TMEM87B	3.0912
RPS11	6124.99
RAD23B	51.781
ANKRD44	0.502645
C2orf76	1.48636
CAMSAP1	8.37803
ZC3H11A	16.8237
GPR137	14.1826
MARK3	21.1332
TMOD4	0.0656429
MRFAP1	137.943
UBA6	6.3167
CTSZ	85.6386
LOC728190	24.0928
BIRC6	1.89273
ZNF160	4.27089
CRAT	79.0834
EPB49	18.8665
ZNF678	0.464075
WDR26	7.66496
HMGXB4	4.40829
P2RX5,TAX1BP3	94.3345
TBL1X	5.15303
C12orf49	6.19786
UQCRH	937.038
CD47	6.68642
KANSL1L	3.49091
TYRO3	15.9647
GPKOW	8.67539
TRIM7	13.1993
TLR5	0.0196742
KIAA1551	0.48956

MLLT4	4.73621
ZNF580	94.8807
HSPH1	3.74375
CSNK1G2	36.2415
C9orf114	32.4898
TSTD1	99.6944
SH3RF3	0.789139
TRIM44	4.8596
ERCC2	25.6013
HIF1AN	6.0781
DNTTIP1	88.8997
GALNT1	4.69327
NUP153	6.56955
USP21	15.0046
MAFA	4.84345
RPL27	5284.48
C15orf61	13.5574
ZNF501	0.741816
PVRL1	8.04014
C17orf70	13.8027
SSH3	18.2946
PPP2R1A	203.6
NRBP1	54.7306
SLC45A4	4.71727
ACIN1	61.7331
RAB5A	14.2931
AOC3	0.81547
MMP25	2.39756
HEXA	53.2104
UHRF1BP1L	1.41883
IBTK	4.55563
CDK1	40.9719
MRPL49	32.5606
MID2	1.19422
LOC286367	0.454057
TRABD2A	16.1947
NPAT	1.36749
EI24	46.3058
BDH1	21.5428
NANOS3	2.78074
TOP3A	4.04216
LSM12	62.2239
LOC100506963	3.13919
ANKRD13A	28.8632
MRPL41	584.471
SNX1	5.88994
ALG10	1.08014
ATF6B	43.8175
TMEM5	10.1107
LINC00493	146.29
CRTC1	3.66209
TOP1MT	122.028
DCAF6	5.56403
CDC20	163.21
SLC15A3	1.09903
STX12	9.50746
CYHR1	73.6994
CCDC93	4.48285
DDX20	6.65454
TNFAIP8L1	7.56066
APBB2	0.988985
KIAA1671	1.83937
BBS4	5.20582
TBP	11.1189
HINT3	5.73157
S100PBP	4.05842
CRHR1-IT1	4.06234
NASP	40.6333
CHCHD10	316.474
LAMP2	12.9156
COX7C	1258.05
BARD1	0.20859
NTF4	1.58586
EGFL8,PPT2	37.1921
MYLPF	0.190494
HP1BP3	27.7888
KIF13B	1.58131
CDK5RAP1	16.8661
HLA-H	11.5426

KDM3B	7.41472
RABGGTA	16.0413
PRMT10	2.05616
METTL5	62.6415
KBTBD2	8.9273
NUDT6	5.12213
AGPAT3	7.74614
UBA52	405.399
SKIV2L	6.91912
RPL32	1478.86
CEBPZ	7.97237
SMURF1	6.83214
ZNF385A	15.5204
CHFR	0.173591
PSME1	165.071
LIN7C	6.12411
DCAF10	3.22372
AP2B1	44.6405
IL4R	6.47338
KIAA1107	0.17792
COPS7A	52.4849
GSTT2	0.782307
NISCH	16.1949
C11orf84	48.8392
ZNF621	2.86081
CACUL1	7.75415
HUWE1	7.09439
KIDINS220	2.03698
KANK2	1.84188
SLC35A4	25.3406
PIAS4	9.76947
TARBP1	3.94342
JKAMP	12.8449
MF12-AS1	2.42444
COX7B	341.146
FBXO43	0.160907
TMEM107	8.67139
POLE	5.78133
ZNF347	0.00822943
MGEA5	19.4645
CROCC	5.62594
PPP6R3	12.6648
MSH6	6.11307
SSU72	150.733
GNPDA1	107.748
ZNF12	5.32213
PTK2B	0.545028
APRT	241.402
CREM	19.574
ZNF865	8.18111
GNPTG	19.2041
SNX11	7.87073
TPD52L1	26.7317
ZNF764	3.34545
GSR	19.1519
DARS2	6.49102
PJA1	8.21311
SGPL1	7.14548
CD151	369.321
IFT20	29.4242
WNT11	6.81675
ZNF319	2.98677
RAB1A	40.5618
SFXN1	13.1939
NUDT21	23.3159
CNP	20.0693
ZNHIT1	159.623
SS18L2	18.2485
TTLL12	53.667
STAG2	8.88587
CREG1	38.205
AP3M1	7.35141
ATP6V0C	243.196
FAM156A,FAM156B	0.546271
PSMB6	232.746
LOC283070	7.29593
TMEM177	35.2219
COPS3	39.6241
CCNL1	18.6791

CD160	0.0503467
IQCB1	13.6203
CAPN10	12.0765
HEATR4	0.0260097
ALG13	3.85634
HADH	41.3015
ACTR3	41.36
AZI2	16.2
LRP5	12.6468
LINC00202-1	0.0921571
RPS25	5035.63
PROCR	158.368
DEDD2	39.4921
NAPA-AS1	4.07922
RPS28	7186.65
DCTN4	12.9477
PTPN21	1.55478
TUSC1	10.4567
ZNF607	1.47493
MIPOL1	0.313803
PLEKHA8P1	2.2482
ZBED4	4.27562
ZSWIM4	6.00872
ZNF286B	2.81573
EIF3F	420.761
FAM35A	4.47949
RCC2	23.6797
LOC100289561,PRKRIP1	29.7075
PKN2	3.86218
FAM174B	7.7827
MYL6B	119.989
SLC35B2	43.1697
PLEKHA6	1.67816
BABAM1	54.3972
ZNF18	1.79293
FBXO33	2.28665
SFT2D1	105.991
VCPIP1	2.58297
GRTP1	11.6228
FAAH	9.3514
DHX38	12.0588
GPR107	15.1608
RGL3	11.6349
FUT8	2.2316
EIF3L	270.491
CIB2	21.9781
CSNK1G1	1.99369
ADRBK1	35.119
LYPLA2	96.1444
FLJ13197	0
TYK2	17.1557
PSMA7	277.263
GRINA	347.739
MRPL44	27.7271
ILDR2	0.649242
APOBEC3C	13.8792
IPO9	5.14246
CD68	403.112
ATP7B	1.01216
SYK	8.85472
PTK6	4.26589
DCAF8	14.3554
WBP5	42.6746
AP1B1	23.9358
ACVR2B-AS1	0.465927
LHFPL2	2.71508
BMPR1A	2.70586
TMEM216	29.8202
C1orf174	14.9348
EXOSC9	17.3208
RPS6KB1	2.80677
USP48	7.37643
PSME4	9.16602
LOC389765	0.736372
CCT6P3	2.9674
USP27X	0.936971
SFN	59.7157
BEGAIN	3.68531
NDUFB3	65.1342

ZNF202	3.57067
TNRC6B	1.22618
PDXDC1	11.6764
ZDHC7	10.7281
ADH5	45.5651
ATAD1	10.5851
ZNF148	1.99866
PDCD4	14.7138
SERINC2	31.997
TFG	64.3587
SMPDL3A	1.47478
KEAP1	40.6257
TCEANC2	0.820464
PDE4DIP	0.460904
PPP1R9B	15.6956
SLCO4A1	24.925
TLCD1	13.3171
MAPRE2	2.69626
AP1S1	162.499
PRELID1	178.592
TEAD3	12.2306
PHF13	5.13083
ABCG4	1.4037
PSMD11	25.591
ANAPC10	7.13241
LOC550643	87.3359
METTL4	2.00262
ZNF222	3.56
ABLIM1	8.36967
ATP6V1E2	2.57965
ATRN	3.47254
ZFP41	4.92
GPS1	76.5971
PTP4A1	14.2627
EED	12.2439
SF3A1	20.4323
ZCRB1	23.1255
MSANTD1	0.191422
LOC643669	0.295018
PGP	9.61725
NUP50	10.4081
MCMBP	15.314
SEC24B	6.60644
PGGT1B	4.87831
SMC6	1.60677
SNHG9	47.7167
NDUFS7	171.738
PDZD8	1.83771
VSIG10	3.83907
SDHB	122.706
PODXL2	47.8245
PDHB	29.024
WTAP	35.2687
CLPP	200.285
CNN1	0.0804463
BAP1	23.0433
RHOT1	5.45776
IL8	0
ALDH5A1	3.51134
MORF4L1	72.9536
FAM126B	1.11298
DNAJC24	2.96984
DAP	35.8479
BCL11A	0.765778
EVA1B	26.8501
C1orf50	12.7366
HMG20A	6.59249
GTF3C5	91.922
CNFN	5.28394
PPP6R1	40.2556
TSPAN5	2.69769
LAMP1	68.9469
ZNF432	0.688766
ZC3H18	8.16814
MAD2L1	47.1361
EIF3K	314.213
PRRC2A	34.9854
TARS2	25.359
POLD1	29.1331

WDR6	24.8085
DHTKD1	3.46
RPS27	12123.3
KIFC3	44.1273
MINA	8.17826
TRADD	11.475
CCDC130	22.7647
ZRANB1	4.10163
RAB11FIP2	1.43948
COX10	8.1212
ARPC1A	119.662
ADAMTSL4	2.27961
SLC12A7	13.3779
ATXN7L2	6.58635
ZNHIT3	85.9524
DIXDC1	0.679755
AMMECR1L	6.30562
EXOC8	2.08822
RREB1	2.88181
ZWINT	28.7691
HOOK3	1.02199
STK11	23.1727
FAM109B	2.99019
NDUFA5	32.5097
ARNTL2	3.09823
MYCBP2	1.45736
CMTM7	79.7294
SLC37A4	22.9344
VPS39	7.71836
C11orf31	168.992
PAQR6	3.18992
ARL6IP6	4.50919
TM2D3	18.6371
CLCN3	6.57969
TRAM1	40.9069
PDCD6IP	16.4043
SLC23A3	0.662679
ELOVL7	3.98778
ACTN1	68.2738
ZNF25	1.51641
MYO1C	49.2113
SLC37A1	6.78597
TADA3	70.719
NFKB1	7.38716
BSG	614.32
LOC440335	0.120772
ZNF799	1.23236
PSMB4	518.766
EARS2	10.2854
SH3BGR1	16.098
ARCN1	27.139
CHCHD5	39.4728
OSBPL2	8.71068
CDKL1	0.846774
C6orf170	0.270324
CAMK1	31.1118
NDUFB9	621.426
MAST1	4.99311
ZNF547	10.7622
CTDSPL2	2.55484
NMT2	3.57886
SIX4	2.19258
THSD1	0.992852
ROBO3	2.91274
PRPF18	9.24982
FBN1	0.0066697
SELRC1	4.94599
RAD21	57.2058
PRRC1	6.96143
TBC1D25	5.86984
ZBTB11	2.02329
APBB3	7.65687
TBC1D24	3.91016
TROVE2	5.76886
MED25	20.292
RFC4	29.3039
ZNF300	5.90894
DDR1	9.52465
SAR1A	24.0366

TLE2	31.467
POPOC2	0.226417
FAM203A	1.80715
TIMM13	91.29
BBS2	12.822
CWC15	24.5944
BACE2	17.0283
TAF6L	10.9861
RAB28	8.67534
CHRNA10	1.37286
ADAM8	0.766314
TRMT61A	15.3984
RFNG	69.7636
RAB5C	78.3196
FAH	26.7725
SMC5	2.83307
SEPN1	67.6238
CPSF4	72.1139
PRR7	41.8777
LOC286437	0.285492
LOXL3	6.42901
MAPK8IP3	7.99554
ZNF358	62.7673
EPG5	1.31974
FAM171A2	8.24282
AP2M1	198.214
FLJ31306	10.8754
SLC31A1	14.1338
LRBA	4.10086
AGPAT6	14.4514
XRCC3	12.0266
KLHL28	0.712572
TSC22D1	15.3721
RPS3A	3829.89
APTX	16.6374
C16orf13	176.153
PQLC2	30.0775
EPS8L1	9.26618
FAM195B	70.987
KCTD14,NDUFC2,NDUFC2-KCTI	20.3822
SCARNA17	6.16979
MLX	32.3494
FAU	2066.84
CRYZ	16.5861
CDK13	2.05059
LRR1	15.5268
SCAMP5	20.716
PPP2R2D	14.8515
AAED1	31.7094
ZNF318	2.23665
ADCY6	6.43963
SNRPB	492.99
SEC31B	0.318264
MED27	53.0808
TCF7	5.71942
NECAB3	32.3189
TRRAP	5.59052
RNPS1	141.335
SNRK-AS1	0.137211
SDHAF2	30.0828
STARD13	1.43498
PSMD3	83.2495
CNNM3	6.87531
FTSJ2	15.4716
C3orf14	0
TOB1	9.91898
FAM108C1	9.38198
GNAS	452.143
PGM2	7.79079
BRAF	2.33153
BLVRA	43.6105
PSMD5	18.0714
COG1	7.95519
MDH2	343.829
CISD1	11.7093
CHD8	3.48804
CHMP4B	61.7979
YIPF3	73.3012
CHMP1A	47.3075

RPS6KA3	3.41348
DDX55	9.08097
GAPVD1	6.34122
C1QL2	0
LOC100288123	0.0864539
MUS81	30.8367
TAF7	31.2447
RXR8	24.2251
AMBRA1	6.26568
P2RY2	0.544824
ZNF557	1.92698
RRN3P1	5.13518
SMYD5	20.5971
ANGPTL6	3.48913
DCUN1D4	5.95366
TMTC4	3.96371
F8	2.83919
ZNF253	1.35622
ANKRD17	5.78243
TRIM16	3.71938
CC2D1A	19.7455
FNDC8	1.44838
LOC202781	7.42632
TRAK2	1.34083
CCNB1IP1	171.458
LRRC15	0.00843321
C18orf54	1.28212
BORA	4.87564
ZUFSP	5.83315
ASH2L	8.78286
SLC31A2	8.08077
KIAA1656	0.502839
RLN2	0.0644513
CERCAM	68.7161
KIAA0391	13.4498
DPF2	30.9791
CYBA	387.442
GALNT7	3.73229
PUSL1	41.6417
MITF	0.553021
TXNL4A	75.0756
DLX4	0.827888
ATP6V0A1	10.8943
PPP6R2	12.9953
ATXN7L3	16.633
ANKS3	8.73496
CHD6	1.2319
EPPK1	0
AGO1	3.02864
ATP5G3	63.3611
RHEB	87.1007
ITGA5	24.196
RASAL2	0.783114
ANKRD28	4.07159
CCDC101	13.6867
SEPT7	17.9018
IL17RD	1.49632
PKDREJ	0.00580001
NDUFS6	137.317
AMY2B,RNPC3	2.95785
GALNT4,POC1B,POC1B-GALNT4	5.16637
CCDC90A	4.89104
MTX2	40.0566
RPS14	4739.83
ZIC5	1.40751
CIR1	11.4137
RPS6KB2	46.5345
DNAJA4	5.73426
UBTD2	7.7846
PSMA1	136.919
CLN5	6.13118
MARCKSL1	244.931
EZH1	4.24668
GNE	2.4679
USP8	4.3788
TMEM248	16.2777
GID8	15.4234
MARVELD2	0.381978
SGTA	76.7974

LLGL1	16.0051
GYS1	50.8148
DNAJC18	2.05632
RPPH1	46.7284
C19orf26	3.46445
PGBD1	1.52854
SMIM3	9.52471
HEXIM1	9.56514
FLJ37453	2.55697
UBE2G1	11.3186
CHCHD3	77.7062
PLS3	11.384
GANAB	82.2084
RPL27A	435.196
TMEM246	28.129
HDGFRP2	37.3035
RCCD1	10.0301
CCDC12	36.616
ALAD	7.03734
CNOT2	17.3614
SNORA12	0
S100A10	176.734
DCLRE1A	2.6257
MYD88	12.7362
STRADB	15.5789
EP400	2.6866
CEP112	1.1908
LAMA5	2.50938
SNRPF	145.197
B4GALT2	47.1499
RPS27A	2055.13
APITD1,APITD1-CORT,CORT	9.37638
MCTS1	3.23371
TXNL1	84.9366
PIIP5K2	2.16699
AXIN1	33.0774
CPNE1,RBM12	89.2718
PTPRH	0.932576
PTS	14.8364
RNF168	5.28411
TRAPPC2L	82.9981
SMARCC2	15.2476
LOC100505687	3.11247
ZNRF3	1.77995
GRK6	26.9078
GPD2	3.45951
PGS1	11.0899
THYN1	59.1573
PKN1	119.098
HSDL1	6.10912
MIR4315-1,PLEKHM1P	2.10817
TNPO1	10.4346
SMEK2	7.0293
UBE2M	139.476
TRIAP1	23.0014
NR2C1	5.20832
SPAG9	4.12334
ATPIF1	266.971
PRDM6	0.0642457
BMP8B	0.68217
PAPOLG	1.74218
NFATC2IP	8.40443
ARFGAP1	29.5453
CRELD2	8.65991
CSMD2	0.015832
CDC40	4.55048
TMEM212	0.0376603
LOC100127888	0.777316
TUBD1	2.14238
F10	0.197315
PRKCZ	18.453
PHACTR4	4.27238
C1orf86	149.849
ZNF250	1.60064
FAM213A	16.5373
SECISBP2L	1.90524
PLOD3	44.6136
ADAM15	91.5896
WIZ	16.9478

AVL9	4.52607
RPS6	4884.61
DENND1A	12.6976
CAPNS1	270.288
ACO1	14.2225
PAQR4	25.3505
EIF2B2	19.1318
TMCO3	9.37579
GTF2H4	26.3272
SAMD4A	2.88861
FLOT2	34.6357
WHAMMP3	0.213438
RP9	13.8691
TMBIM4	33.1573
FEN1	17.2432
DLL4	0.502495
NSL1	0.722189
FBXO11	8.47684
UBE2S	644.994
MPHOSPH8	8.87272
ATP6V1E1	52.1327
NECAP1	7.96116
MED4-AS1	3.07077
ACRC	0.206579
POLR2I	94.9594
HEATR5B	2.00591
RBMX2	21.1614
PRKCD	13.566
TADA2B	5.23509
CCNY	26.5049
FAM168B	9.72741
CEP70	2.76201
MTRNR2L4	0.145984
ARHGAP10	4.35551
SLC41A1	11.5487
FAM32A	42.2452
TBPL1	8.94234
ATM	1.48905
BTNL9	2.48256
RC3H2	2.93886
IL32	368.572
ZNF174	3.83069
TMEM145	24.1019
ARHGEF16	14.2179
KPNA4	8.78886
PAXBP1-AS1	0.112092
VPS33B	6.72353
ADCK3	21.1735
ZCCHC14	2.75909
METTL10	3.70821
DHRS7	53.1862
HS6ST1	11.2856
CNEP1R1	5.11101
PHC1	3.72544
SLC30A7	2.22681
NUDT2	56.3902
TRMT11	8.11619
PELI1	1.86343
BCR	9.03611
LOC100506023	0.0345765
USP47	5.36246
RNF125	2.06432
NOA1	44.9988
KCNK6	12.1573
ESRP1	0.0115088
TMEM41A	8.00048
CAST	35.3984
NHSL1	0.682206
U2AF1	206.433
MARCH7	13.3312
EML4	4.79257
DOT1L	7.08819
FAM53B	6.87844
GOLPH3	18.1124
STK38L	2.89656
XPO1	25.3269
DPAGT1	23.258
TOMM20	59.089
PNPLA4	9.18996

WDPCP	0.406659
CARKD	22.5771
TMPRSS13	0
MAPK8	8.30806
PLXNA2	0.381663
ATP6V1D	27.6507
DNASE1L1	15.1856
ZFP37	1.95469
CKMT1B	12.4686
BMP1	7.76969
RNF130	49.6426
PTH1R	4.87207
TRAPPC6A	36.1587
RASSF3	5.49273
GPR63	1.03179
NFKBIB	25.3666
CSNK2B	256.981
PRKCSH	230.529
KLHL12	10.5769
LINC00471	0.21856
TAOK3	1.23603
DARS	63.3633
BRD8	11.3901
DDX47	30.9458
MGC39372	2.1422
SFSWAP	8.83186
ZNF689	3.77033
ISCA1	23.4338
ADPRHL1	3.63922
HIST1H3B	1.91115
MLLT6	16.1632
C12orf57	325.504
PPP1R12C	21.5279
DMKN	87.1498
EDC3	10.0502
ALKBH2	36.3013
PRICKLE4	1.9809
SNRNP25	26.9928
PHF6	3.92323
TMEM194A	6.47223
TFIP11	11.6458
MBOAT7	91.2849
SLC35E2	3.99297
SPPL2A	3.16587
CMTM4	12.3976
BCAS4	30.5362
SARS2	15.8707
EMC7	90.0469
EBI3	0.598877
PDLIM7	84.5506
ABCB9	3.50019
WDR36	6.51607
CABIN1	7.62618
HAUS3,POLN	1.62258
UPF3A	14.6873
USP20	11.9808
FANCL	9.15934
YTHDC1	5.07229
SSR4	440.939
ARFGEF1	4.27131
SNRK	0.417939
MFN1	6.46067
TMEM161A	50.4824
MAMDC4	1.53101
GNAI3	14.9666
BAG3	26.9747
FAM136A	33.4491
LARP4	3.00071
DNLZ	91.4784
CCDC142,MRPL53	111.408
RPUSD3	65.5372
NDUFS3	97.5633
RNF11	16.729
HPS6	17.4599
NUP98	8.09911
PTBP2	2.96326
GDF9	0.196251
FNIP1	6.67144
EXOC6	3.03017

CABLES1	1.6669
GORASP2	34.5551
AGRN	11.3746
SLC29A2	13.1897
FAT1	1.15407
HPSE	2.51514
FCER1G	0.867458
MSL3P1	4.81103
PHACTR2	1.8709
RHOBTB2	3.89147
RBM39	41.1811
CLU	36.3511
SENP2	6.21189
ANKRD13C	1.8202
PRDX4	213.389
FAM188A	11.743
SETD3	10.7595
RPS20	4032.12
THOC2	3.44234
SNW1	31.8179
PI4K2B	2.29021
PPM1H	1.54528
CELF1	19.4499
WWP1	6.51841
ETFB	94.6418
RAD51	7.40431
MAN2B2	10.6807
TRIM28	182.627
NPEPL1.STX16	32.8014
ZAK	5.47763
NABP2	56.3804
SMYD4	2.43951
CHD5	0.0242885
ZBED5	10.5464
LOC100129550	1.13535
SLC38A6	4.00797
ARHGAP27	6.89055
MRPL52	71.3294
ABI1	17.7586
ZNF45	1.6887
CLASRP	19.5103
MRPL23-AS1	0.147025
PISD	20.2753
IGFBP2	38.4371
NKAP	18.5445
POLR3C	16.232
TMEM9	63.1352
SLC25A19	25.6812
LOC441081	0.0821015
HIST1H4H	4.59975
TRIM16L	5.70441
H19.MIR675	1.60853
CRIP1	7.24201
SPCS1	159.329
NAA16	2.13913
ABHD16A	26.79
RRM2	38.8966
ENSA	127.647
C6orf120	6.52304
C1orf123	30.713
IGBP1	74.0486
PSKH1	6.40337
ARMC1	11.5483
PYROXD2	0.0573472
C16orf87	3.05066
MLF2	197.962
PGRMC1	88.9752
ALG6	2.05947
SMAD9	3.29464
SEC11A	173.288
NAT1	1.58104
MGAT5	3.9107
FLOT1	111.942
ATP6V1C1	14.9569
PCBD1	214.308
ZNF32-AS1	18.6446
MUC1	3.80519
SCAF1	16.9297
FAM134B	0.540498

MOB2	28.4929
POU5F1	0.0894314
ATP5A1	271.995
COMMD5	63.3592
EBPL	135.681
PKNOX1	2.16863
GLRX5	49.2013
RIOK1	12.9108
SLC9A6	1.93486
KIF22	65.3109
VDAC3	106.379
TRAM2	2.67529
IKBIP	13.0367
ENOPH1	19.9872
DGKZ	26.9217
EIF2B3	5.95535
MTO1	5.80036
FAM91A2,LINC00623	4.4786
ZNF510	1.4005
FAM45A	7.23925
DHRS7B	10.4042
LOC100506083	0.373918
KAT7	8.56449
TMEM205	90.3101
PTGER4P2-CDK2AP2P2	0.0726655
ATG4C	1.99084
DEXI	31.2241
ARPC2	209.472
COPS8	29.5459
RAMP1	46.4023
C16orf58	44.3326
ATP2A1	0.924887
NHLRC3	3.49063
SPATA24	2.17054
RMND5B	22.9142
TMX4	6.50085
PATZ1	21.0345
MIS18A	16.0119
TCP11L1	4.01207
CXorf38	2.24872
PTPN4	0.624591
KRT8	25.3616
RIN3	10.5927
PLXNA1	6.45294
CPSF7	15.1513
RAB2B	3.91499
THAP10	1.05169
PCBP1	206.686
PRDX5	410.964
RPS12	9451.84
PUM2	13.6541
VDAC2	185.773
LOC100507373	0.38292
ZFAS1	745.43
NELFCD	38.1063
CRCP	11.9082
SUPT7L	9.36048
TCEAL8	43.7938
PLEKHO2	5.23022
NFYA	3.57056
RAD17	7.88093
BPTF	1.52934
FBXO38	6.30998
CD2AP	5.72571
POR	44.8793
SNRNP27	19.5747
ALG11,UTP14C	1.81343
CMIP	8.6207
ARHGEF12	5.2772
IPO5	27.4734
DDAH1	18.9246
TIPRL	10.8959
CYB5R3	52.4253
DICER1	1.75109
ZNF226	3.53599
GPATCH1	1.69533
PCYT1A	6.5498
OR4F5	0
OR4F3	0

LOC254099	0
MIR200B	0
MIR200A	0
MIR429	0
TLL10	0
TMEM88B	0
MMP23A	0
GABRD	0
ACTRT2	0
MIR4251	0
CCDC27	0
LOC728716	0
LOC284661	0
AJAP1	0
MIR4417	0
HES3	0
CA6	0
MTOR-AS1	0
ANGPTL7	0
PTCHD2	0
DRAXIN	0
SNORA59A	0
AADA4L4	0
AADA4L3	0
C1orf158	0
PRAMEF12	0
PRAMEF1	0
PRAMEF2	0
PRAMEF7,PRAMEF8	0
PRAMEF22	0
PRAMEF5	0
PRAMEF9	0
PRAMEF16	0
PRAMEF20,PRAMEF21	0
PRAMEF9	0
PRAMEF17	0
PRAMEF20,PRAMEF21	0
PDPN	0
CELA2A	0
CELA2B	0
TMEM82	0
C1orf64	0
CLCNKB	0
MIR3675	0
MIR3675	0
PADI6	0
IGSF21	0
KLHDC7A	0
PAX7	0
HTR6	0
PLA2G5	0
PLA2G2F	0
UBXN10	0
FAM43B	0
CELA3B	0
CELA3A	0
C1QA	0
C1QC	0
C1QB	0
MIR4684	0
MIR3115	0
MIR378F	0
LOC284632	0
CATSPER4	0
MIR1976	0
RAB42	0
OPRD1	0
LOC149086	0
LOC284551	0
LCK	0
ZBTB8B	0
HMGB4	0
LOC402779	0
C1orf94	0
GJB4	0
GJA4	0
MIR4255	0
MIR3659	0
MIR30E	0

MIR30C1	0
GUCA2B	0
FAM183A	0
TMEM125	0
KLF17	0
MIR5584	0
SNORD38A	0
SNORD38B	0
EFCAB14-AS1	0
CYP4B1	0
CYP4X1	0
CYP4Z1	0
CYP4A22	0
SLC5A9	0
ELAVL4	0
C1orf185	0
PODN	0
DMRTB1	0
MIR4781	0
C1orf177	0
MIR4422	0
C8A	0
MGC34796	0
UBE2U	0
MIR4794	0
MIR3117	0
TCTEX1D1	0
PIN1P1	0
LHX8	0
SNORD45C	0
SNORD45A	0
SNORD45B	0
ST6GALNAC5	0
AK5	0
MGC27382	0
PTGFR	0
IFI44L	0
LPHN2	0
PRKACB	0
MIR4423	0
CLCA4	0
CLCA3P	0
GBP6	0
GBP1P1	0
BRDT	0
C1orf146	0
SNORA66	0
MIR760	0
DPYD-AS1	0
LOC729987	0
LOC100129620	0
LPPR4	0
PALMD	0
MIR553	0
GPR88	0
VCAM1	0
S1PR1	0
DNAJA1P5	0
AMY2A	0
AMY1A	0
AMY1A	0
NTNG1	0
VAV3-AS1	0
NBPF6	0
MIR197	0
CYMP	0
CD53	0
CHI3L2	0
CHIA	0
PIFO	0
SYCP1	0
TSHB	0
MIR320B1	0
CD2	0
MIR942	0
HAO2	0
HSD3B1	0
HIST2H2BA	0
EMBP1	0

GPR89C	0
GJA8	0
PPIAL4E	0
PPIAL4D	0
FCGR1C	0
PPIAL4B	0
FCGR1A	0
HIST2H4B	0
HIST2H2AA3	0
HIST2H3C	0
MIR4257	0
MIR554	0
RIAD1	0
LOC100132111	0
LCE5A	0
CRCT1	0
LCE3C	0
LCE3B	0
LCE2D	0
LCE2C	0
LCE2B	0
LCE2A	0
LCE4A	0
C1orf68	0
KPRP	0
LCE1A	0
LCE6A	0
SMCP	0
IVL	0
SPRR4	0
SPRR1A	0
SPRR3	0
SPRR1B	0
LELP1	0
LOR	0
S100A9	0
S100A7A	0
AQP10	0
MIR4258	0
MIR92B	0
TTC24	0
CYCSP52	0
CD1D	0
CD1A	0
CD1C	0
CD1E	0
OR10K1	0
OR10R2	0
OR10Z1	0
OR6K6	0
MNDA	0
PYHIN1	0
CADM3	0
DARC	0
FCER1A	0
OR10J1	0
APCS	0
FCRL6	0
LOC100505633	0
ATP1A2	0
ATP1A4	0
LY9	0
PCP4L1	0
MIR4654	0
MIR556	0
LRRC52	0
LOC440700	0
FMO9P	0
DUSP27	0
MIR557	0
XCL1	0
LINC00626	0
METTL11B	0
PRRX1	0
MROH9	0
FMO3	0
MIR1295B	0
FMO6P	0
FMO2	0

FMO1	0
MIR3120	0
C1orf105	0
FASLG	0
LOC730159	0
TNN	0
FAM5B	0
TEX35	0
MIR4424	0
GM140	0
CACNA1E	0
LINC00272	0
RGSL1	0
LOC284648	0
HMCN1	0
LOC440704	0
RGS18	0
RGS21	0
RGS1	0
RGS13	0
MIR1278	0
CFH	0
CFHR3	0
CFHR4	0
CFHR2	0
CFHR5	0
LHX9	0
MIR5191	0
MIR1231	0
GPR37L1	0
OPTC	0
AVPR1B	0
CTSE	0
IL20	0
C4BPB	0
C4BPA	0
CR2	0
CR1L	0
MIR205HG	0
SYT14	0
SERTAD4	0
MIR3122	0
SNORA16B	0
KCNK2	0
LINC00210	0
RNU5F-1	0
MARK1	0
C1orf65	0
PRSS38	0
WNT3A	0
MIR3620	0
MIR4666A	0
CAPN9	0
MAP10	0
MIR4427	0
MIR4671	0
ACTN2	0
LOC100130331	0
RPS7P5	0
FMN2	0
MIR3123	0
WDR64	0
MIR4677	0
LOC339529	0
C1orf100	0
OR2W5	0
GCSAML	0
OR2G2	0
OR2G3	0
OR2W3	0
OR2T8	0
OR2L13	0
OR2L8	0
OR2AK2	0
OR2L1P	0
OR2L5	0
OR2L2	0
OR2L3	0
OR2M1P	0

OR2M5	0
OR2M2	0
OR2M3	0
OR2M4	0
OR14C36	0
OR2T4	0
OR2T6	0
OR2T1	0
OR2T2	0
OR2T3	0
OR2T5	0
OR2G6	0
MIR3124	0
FAM138F	0
OR4F3	0
TNFRSF18	0
HES5	0
MIR551A	0
MIR4689	0
MIR4252	0
MIR34A	0
C1orf200	0
C1orf127	0
PRAMEF11	0
HNRNPCL1,LOC649330	0
PRAMEF4	0
PRAMEF10	0
PRAMEF6	0
PRAMEF5	0
LOC440563	0
PRAMEF3	0
PRAMEF8	0
PRAMEF13,PRAMEF14	0
PRAMEF18	0
PRAMEF7,PRAMEF8	0
PRAMEF14	0
PRAMEF18	0
LRRC38	0
HSPB7	0
ESPNP	0
MIR3675	0
PADI2	0
TAS1R2	0
MIR4695	0
RNF186	0
PLA2G2E	0
PLA2G2A	0
PLA2G2C	0
MIR4253	0
CNR2	0
SLC30A2	0
TRIM63	0
AIM1L	0
ZNF683	0
CD164L2	0
FGR	0
SNORD99	0
MIR4420	0
SNORD103A	0
SNORD103A	0
SNORD85	0
MIR4254	0
CSF3R	0
GRIK3	0
MIR5581	0
RSPO1	0
LOC339442	0
SNORA55	0
NT5C1A	0
GUCA2A	0
CLDN19	0
KCNK	0
CYP4Z2P	0
PDZK1IP1	0
SKINTL	0
AGBL4	0
BEND5	0
SLC25A3P1	0
LDLRAD1	0

TTC22	0
C1orf168	0
C8B	0
DAB1	0
MIR4711	0
CYP2J2	0
C1orf87	0
KANK4	0
MIR3671	0
MIR101-1	0
MIR1262	0
RPE65	0
MIR186	0
NEGR1	0
NEGR1-IT1	0
C1orf173	0
SLC44A5	0
ASB17	0
ELTD1	0
MIR548AP	0
LOC100505768	0
GBP7	0
GBP5	0
BARHL2	0
HFM1	0
MIR137_MIR137HG	0
MIR2682	0
LPPR5	0
LOC100128787	0
RNU6-6	0
OLFM3	0
COL11A1	0
AMY1A	0
VAV3	0
NBPF4	0
HENMT1	0
EPS8L3	0
KCNA10	0
KCNA2	0
KCNA3	0
PGCP1	0
MIR4256	0
LOC643441	0
SYT6	0
DENND2C	0
TSPAN2	0
NGF	0
SPAG17	0
HMGCS2	0
ADAM30	0
PPIAL4B	0
LOC653513	0
PDZK1P1	0
PDZK1P1	0
MIR5087	0
FLJ39739	0
PPIAL4B	0
PPIAL4D	0
HIST2H3A	0
HIST2H2AA3	0
HIST2H4A	0
HORMAD1	0
SELENBP1	0
LINGO4	0
C2CD4D	0
THEM5	0
TCHHL1	0
TCHH	0
RPTN	0
FLG2	0
CRNN	0
LCE3E	0
LCE3D	0
LCE3A	0
SPRR2D	0
SPRR2A	0
SPRR2B	0
SPRR2E	0
SPRR2F	0

SPRR2C	0
SPRR2G	0
PGLYRP3	0
PGLYRP4	0
S100A12	0
S100A8	0
S100A7L2	0
S100A7	0
MIR190B	0
SNORA42	0
VHLL	0
MIR9-1	0
INSRR	0
MIR765	0
ETV3L	0
FCRL5	0
FCRL4	0
FCRL3	0
FCRL2	0
FCRL1	0
CD5L	0
LOC646268	0
CD1B	0
OR10T2	0
OR10K2	0
OR6Y1	0
OR6P1	0
OR10X1	0
SPTA1	0
OR6K2	0
OR6K3	0
OR6N1	0
OR6N2	0
AIM2	0
LOC100131825	0
OR10J3	0
OR10J5	0
CRP	0
IGSF9	0
SLAMF9	0
SLAMF6	0
SLAMF1	0
CD48	0
CD244	0
ITLN1	0
ITLN2	0
MPZ	0
FCGR3B	0
SH2D1B	0
LOC100505795	0
LMX1A	0
RXRG	0
MIR921	0
ADCY10	0
XCL2	0
DPT	0
SELP	0
MIR3119-1	0
LOC284688	0
MIR1295A	0
MYOC	0
DNM3OS	0
TNFSF18	0
SLC9C2	0
SNORD81	0
SNORD80	0
SNORD79	0
SNORD78	0
SNORD44	0
SNORD77	0
SNORD75	0
SNORD74	0
TNR	0
MIR488	0
LOC730102	0
MIR3121	0
RGS8	0
SHCBP1L	0
NCF2	0

LOC100288079	0
MIR548F1	0
PTGS2	0
FAM5C	0
KCNT2	0
MIR4735	0
DENND1B	0
ATP6V1G3	0
MIR181B1	0
MIR181A1	0
CACNA1S	0
TNNT2	0
LAD1	0
TNNI1	0
RNU6-79	0
LOC401980	0
MYBPH	0
CHI3L1	0
CHIT1	0
FMOD	0
LINC00303	0
KLHDC8A	0
MIR135B	0
PM20D1	0
SLC26A9	0
C1orf186	0
FAIM3	0
FCAMR	0
MIR29B2	0
ESRRG	0
LOC728463	0
SLC30A10	0
MIR215	0
MIR194-1	0
MIR664,SNORA36B	0
C1orf140	0
MIR320B2	0
MIR4742	0
LEFTY1	0
LEFTY2	0
ZNF847P	0
WNT9A	0
MIR5008	0
HIST3H3	0
PGBD5	0
LOC149373	0
SNRPD2P2	0
LINC00582	0
MIR4753	0
MIR1537	0
NID1	0
MT1P2	0
ZP4	0
LOC339535	0
GREM2	0
RGS7	0
PLD5	0
LOC255654	0
MIR3916	0
OR2B11	0
OR2C3	0
OR13G1	0
OR6F1	0
OR1C1	0
OR14A16	0
OR11L1	0
OR2T33	0
OR2T12	0
OR2M7	0
OR2T29	0
OR2T34	0
OR2T10	0
OR2T11	0
OR2T35	0
OR2T27	0
OR14I1	0
LYPD8	0
LINC00200	0
ADARB2-AS1	0

LINC00705	0
AKR1E2	0
AKR1C1	0
AKR1C4	0
UCN3	0
CALML3	0
MIR3155A	0
ECHDC3	0
MIR4480	0
MIR1265	0
ST8SIA6-AS1	0
MIR511-1	0
MRC1	0
MIR511-2	0
SLC39A12	0
PLXDC2	0
MIR4675	0
NEBL-AS1	0
LOC100130992	0
ARMC3	0
PTF1A	0
MIR603	0
MYO3A	0
GAD2	0
APBB1IP	0
LINC00202-2	0
MIR5586	0
LYZL1	0
ANKRD30A	0
ACTR3BP5	0
MIR5100	0
LINC00619	0
LINC00840	0
LINC00841	0
LOC100130539	0
TMEM72	0
ANKRD30BP3	0
MIR3156-1	0
PPYR1	0
ANXA8L2	0
BMS1P2	0
FAM25C	0
ANXA8	0
FAM170B-AS1	0
C10orf71	0
CHAT	0
SLC18A3	0
C10orf53	0
PRKG1	0
MIR605	0
DKK1	0
BICC1	0
PHYHIPL	0
C10orf107	0
MIR548AV	0
ANXA2P3	0
LRRTM3	0
SNORD98	0
SRGN	0
CHST3	0
MIR4676	0
OIT3	0
ZNF503-AS1	0
LINC00856	0
SFTPA1	0
LOC100288974,MBL1P	0
PLAC9	0
NRG3	0
C10orf99	0
CDHR1	0
RGR	0
LINC00858	0
GRID1-AS1	0
FAM25A	0
MIR4678	0
LIPJ	0
LIPF	0
LIPK	0
LIPN	0

LIPM	0
MIR4679-1	0
IFIT1B	0
LOC643529	0
LINC00502	0
HHEX	0
CYP26C1	0
PDE6C	0
LG1	0
C10orf129	0
DNMT	0
LOC100505540	0
ANKRD2	0
MIR5692C2	0
NKX2-3	0
MIR608	0
FLJ41350	0
MIR146B	0
LOC729020	0
INA	0
SORCS3	0
RNU6-53	0
RBM20	0
TECTB	0
MIR4295	0
TDRD1	0
VWA2	0
ATRNL1	0
CCDC172	0
PNLIPRP3	0
PNLIP	0
KCNK18	0
EMX2	0
MIR4681	0
MIR4682	0
PPAPDC1A	0
MIR5694	0
MIR3941	0
FAM24A	0
HMX2	0
GPR26	0
LOC100169752	0
NPS	0
FOXI2	0
LOC399829	0
GPR123	0
UTF1	0
DUX2,DUX4,DUX4L2	0
MIR5699	0
ADARB2	0
LINC00700	0
LINC00701	0
AKR1C6P	0
AKR1C2	0
AKR1CL1	0
CALML5	0
IL2RA	0
MIR3155B	0
GATA3-AS1	0
LINC00710	0
CELF2-AS2	0
UCMA	0
ITGA8	0
LOC100129213	0
C10orf113	0
MIR1915	0
EBLN1	0
C10orf67	0
GPR158-AS1	0
PTCHD3	0
MKX	0
LINC00837	0
MIR604	0
MIR938	0
KIAA1462	0
LYZL2	0
LINC00838	0
MTRNR2L7	0
CXCL12	0

TMEM72-AS1	0
RSU1P2	0
ZFAND4	0
PTPN20A,PTPN20B	0
FAM25C	0
AGAP9	0
GDF10	0
PTPN20A,PTPN20B	0
FRMPD2P1	0
FAM25C	0
LRRC18	0
MIR4294	0
FAM170B	0
C10orf128	0
DRGX	0
OGDHL	0
PRKG1-AS1	0
MBL2	0
PCDH15	0
MIR3924	0
M1	0
C10orf40	0
TMEM26	0
MIR1296	0
CTNNA3	0
NEUROG3	0
NPPFR1	0
TBATA	0
C10orf105	0
C10orf54	0
MIR1256	0
DUPD1	0
SFTPD	0
LRIT2	0
LRIT1	0
MIR346	0
LOC728218	0
RNLS	0
ANKRD22	0
MIR4679-2	0
CH25H	0
SLC16A12	0
MIR107	0
HTR7	0
PPP1R3C	0
RBP4	0
LOC100128054	0
CYP2C8	0
PDLIM1	0
MIR3157	0
OPALIN	0
SFRP5	0
MIR4685	0
HPSE2	0
PKD2L1	0
TLX1NB	0
LBX1	0
MIR3158-2	0
PITX3	0
MIR609	0
MIR4482-1	0
SORCS1	0
GUCY2GP	0
MIR4483	0
VAX1	0
MIR3663	0
PRLHR	0
SNORA19	0
C10orf120	0
NKX1-2	0
MIR4296	0
TEX36	0
ADAM12	0
LINC00601	0
C10orf90	0
CLRN3	0
MIR4297	0
MIR378C	0
NKX6-2	0

TTC40	0
MIR202	0
CALY	0
FUOM	0
MIR3944	0
FRG2B	0
SCGB1C1	0
ODF3	0
MUC2	0
KRTAP5-5	0
FAM99A	0
SYT8	0
TNNT3	0
IGF2-AS	0
MIR4686	0
TSPAN32	0
MRGPRG-AS1	0
OR52K2	0
OR52K1	0
OR52M1	0
OR52I2	0
OR51D1	0
OR51E1	0
OR51F2	0
OR51T1	0
OR51A7	0
MMP26	0
OR51L1	0
OR52J3	0
OR51B6	0
OR51M1	0
OR51Q1	0
OR56B1	0
OR52N4	0
OR52N2	0
OR52E4	0
OR56A3	0
OR52W1	0
CCKBR	0
OR2AG1	0
OR10A5	0
OR5E1P	0
TUB	0
KRT8P41	0
RASSF10	0
MYOD1	0
MRGPRX4	0
SAA1	0
MIR4486	0
SLC6A5	0
NELL1	0
ANO5	0
SLC17A6	0
LUZP2	0
ANO3	0
FIBIN	0
BBOX1	0
MIR610	0
DKFZp686K1684	0
WT1-AS	0
EHF	0
MIR1343	0
MIR3973	0
MIR670	0
MIR129-2	0
ACCSL	0
LOC100507384	0
MIR4688	0
MIR3160-2	0
OR4B1	0
OR4X2	0
OR4X1	0
OR4S1	0
OR4C3	0
OR4A47	0
TRIM49B	0
LOC440040	0
OR4C13	0
LOC646813	0

OR4C46	0
TRIM48	0
OR4A16	0
OR4A15	0
OR4C15	0
OR4C16	0
OR4P4	0
OR4S2	0
OR4C6	0
OR5D13	0
OR5D14	0
OR5L1	0
OR5D18	0
OR5L2	0
OR5D16	0
TRIM51	0
OR5AS1	0
OR8I2	0
OR8H2	0
OR8H3	0
OR5J2	0
OR5T3	0
OR5T1	0
OR8K3	0
OR8K1	0
OR8J1	0
OR8U1,OR8U8	0
OR5AR1	0
OR9G9	0
OR5AK2	0
OR5AK4P	0
LRRC55	0
P2RX3	0
MIR130A	0
OR9Q1	0
OR6Q1	0
OR9Q2	0
OR1S1	0
GLYATL1	0
OR5AN1	0
OR5A1	0
OR4D6	0
OR4D10	0
OR4D11	0
OR4D9	0
PLAC1L	0
MS4A3	0
MS4A2	0
MS4A4A	0
MS4A6E	0
MS4A14	0
MS4A5	0
MS4A1	0
MS4A12	0
MS4A13	0
LINC00301	0
MS4A8B	0
MS4A15	0
PGA3	0
PGA4	0
PGA5	0
MIR4488	0
LRRC10B	0
SCGB1D1	0
SCGB2A1	0
SCGB1D2	0
SCGB2A2	0
SCGB1A1	0
LGALS12	0
MIR1237	0
SLC22A12	0
SPDYC	0
MIR548AR	0
MIR4690	0
MIR4489	0
NPAS4	0
MIR4691	0
ANO1	0
MIR548K	0

DEFB108B	0
FOLR1	0
FOLR2	0
MIR4692	0
SLCO2B1	0
TPBGL	0
MOGAT2	0
OMP	0
THRSP	0
CCDC83	0
GRM5-AS1	0
TYR	0
FOLH1B	0
TRIM77	0
MIR5692A1	0
TRIM53AP	0
TRIM49D1P,TRIM49D2P	0
TRIM64	0
TRIM49C	0
UBTFL1	0
MTNR1B	0
CCDC67	0
LOC643037	0
KDM4E	0
MIR1260B	0
CNTN5	0
LOC101054525	0
WTAPP1	0
MIR4693	0
DDI1	0
LOC643923	0
RAB39A	0
C11orf87	0
MIR4491	0
MIR34B	0
MIR34C	0
C11orf88	0
LAYN	0
CLDN25	0
HTR3B	0
HTR3A	0
ZBTB16	0
NXPE2	0
APOC3	0
TMPRSS4	0
CD3E	0
MIR4492	0
FOXR1	0
SORL1	0
LOC341056	0
OR8D4	0
OR4D5	0
OR10G4	0
OR10G9	0
OR10G8	0
OR8G2	0
OR8G1,OR8G5	0
OR8A1	0
HEPN1	0
PKNOX2	0
PATE1	0
PATE3	0
PATE4	0
KIRREL3-AS2	0
KIRREL3-AS3	0
C11orf44	0
MIR210	0
KRTAP5-3	0
KRTAP5-4	0
FAM99B	0
MIR4298	0
MIR483	0
TH	0
ASCL2	0
C11orf21	0
MRGPRG	0
MRGPRE	0
OR52B4	0
C11orf40	0

OR51E2	0
OR51F1	0
OR52R1	0
OR51S1	0
OR51G2	0
OR51G1	0
OR51A4	0
OR51A2	0
OR52E2	0
OR52A5	0
OR52A1	0
OR51V1	0
OR51B2	0
OR51I1	0
UBQLN3	0
OR52H1	0
OR52N5	0
OR52N1	0
OR52E6	0
OR52E8	0
OR56A5	0
OR52L1	0
OR56A4	0
OR56A1	0
OR52B2	0
CYB5R2	0
OVCH2	0
OR5P2	0
OR5P3	0
OR10A6	0
OR10A3	0
NLRP10	0
RIC3	0
LMO1	0
MIR5691	0
LYVE1	0
MRV11	0
MIR4299	0
PTH	0
CALCA	0
ABCC8	0
SAA3P	0
SAA2,SAA2-SAA4,SAA4	0
MRGPRX1	0
MRGPRX2	0
CSRP3	0
NAV2-AS5	0
NAV2-AS4	0
MIR4694	0
DBX1	0
CCDC179	0
KCNA4	0
MPPED2	0
WT1	0
SLC1A2	0
LRRC4C	0
LOC100507205	0
HNRNPKP3	0
CHST1	0
C11orf94	0
MIR3160-1	0
MIR5582	0
SNORD67	0
OR4C45	0
TRIM64C	0
FOLH1	0
OR4C12	0
LOC441601	0
OR4A5	0
TRIM51HP	0
OR4C11	0
OR5W2	0
OR5I1	0
OR10AG1	0
OR7E5P	0
OR5F1	0
OR8J3	0
OR8K5	0
OR5T2	0

OR8H1	0
OR5R1	0
OR5M9	0
OR5M3	0
OR5M8	0
OR5M11	0
OR5M10	0
OR5M1	0
OR5AP2	0
OR9G4	0
APLNR	0
PRG3	0
OR9I1	0
OR1S2	0
OR10Q1	0
OR10W1	0
OR5B17	0
OR5B3	0
OR5B2	0
OR5B12	0
OR5B21	0
GLYAT	0
GLYATL2	0
LOC283194	0
MPEG1	0
OR5A2	0
MIR3162	0
OR10V1	0
GIF	0
TCN1	0
MS4A6A	0
MIR1908	0
SCGB1D4	0
SNORD30	0
SNORD28	0
SNORD27	0
SNORD26	0
SNORD25	0
SLC22A6	0
SLC22A8	0
SLC22A24	0
SLC22A25	0
MIR3680-2	0
HRASLS5	0
MIR192	0
MIR194-2	0
GPHA2	0
C11orf85	0
CD248	0
CTSF	0
GPR152	0
CABP2	0
ALDH3B2	0
MRGPRF	0
FGF19	0
FGF4	0
FGF3	0
MIR3664	0
KRTAP5-11	0
MIR3165	0
MIR139	0
KCNE3	0
CHRD2	0
MIR4696	0
OR2AT4	0
MIR326	0
LOC283214	0
LRRC32	0
GUCY2EP	0
GDPD4	0
RNU6-83	0
MIR708	0
MIR5579	0
MIR4300	0
FAM181B	0
SNORA70E	0
CCDC89	0
OR7E2P	0
GRM5	0

TRIM49	0
TRIM64B	0
TRIM49D1P,TRIM49D2P	0
TRIM53AP	0
MIR4490	0
SNORD5	0
MIR1304	0
JRKL-AS1	0
PGR	0
MIR3920	0
MMP20	0
MMP27	0
MMP8	0
MMP12	0
MMP13	0
PDGFD	0
CASP12	0
LOC643733	0
CARD17	0
CARD18	0
ARHGAP20	0
LOC100132078	0
BTG4	0
IL18	0
LOC100288346	0
DRD2	0
MIR4301	0
NXPE1	0
NXPE4	0
LOC283143	0
APOA5	0
APOA4	0
DSCAML1	0
FXYD2,FXYD6,FXYD6-FXYD2	0
TMPRSS4-AS1	0
MFRP	0
TRIM29	0
LOC649133	0
MIR125B1	0
BLID	0
MIRLET7A2	0
MIR100	0
BSX	0
MIR4493	0
OR6X1	0
OR6M1	0
TMEM225	0
OR6T1	0
OR10S1	0
OR10G7	0
OR8D1	0
OR8D2	0
OR8B2	0
OR8B3	0
OR8B4	0
OR8B8	0
OR8B12	0
MIR3167	0
FLI1-AS1	0
SPATA19	0
IQSEC3	0
CACNA1C-IT3	0
KCNA1	0
KCNA5	0
NTF3	0
MIR200C	0
MIR141	0
ACSM4	0
DPPA3	0
NANOGNB	0
CLEC6A	0
KLRF1	0
KLRF2	0
CLEC12A	0
CLEC12B	0
CLEC9A	0
TMEM52B	0
KLRD1	0
MIR1244-2	0

MIR613	0
MIR614	0
H2AFJ	0
PDE6H	0
PTPRO	0
SKP1P2	0
MIR3974	0
PIK3C2G	0
CAPZA3	0
LOC100506393	0
PDE3A	0
MIR920	0
LRMP	0
LOC101055625	0
C12orf40	0
LRRK2	0
CNTN1	0
MIR4698	0
C12orf68	0
ANP32D	0
C12orf54	0
WNT1	0
AQP2	0
AQP5	0
TMPRSS12	0
HIGD1C	0
ANKRD33	0
HOXC12	0
MIR196A2	0
MIR615	0
MIR148B	0
MUCL1	0
NEUROD4	0
OR9K2	0
OR10A7	0
OR6C74	0
OR6C1	0
OR6C3	0
OR6C75	0
OR6C65	0
OR6C76	0
OR6C2	0
OR6C68	0
OR6C4	0
OR2AP1	0
OR10P1	0
MIR1228	0
DTX3	0
SLC26A10	0
MIRLET71	0
MIR548C	0
FLJ41278	0
MIR3913-2	0
TPH2	0
TRHDE	0
MIR1252	0
MIR5692B	0
PTPRQ	0
MYF6	0
MYF5	0
ACSS3	0
MIR4699	0
LRRIQ1	0
ALX1	0
NTS	0
LINC00615	0
CLLU1	0
C12orf74	0
MIR5700	0
KRT19P2.MIR492	0
MIR331	0
MIR3685	0
PGAM1P5	0
RMST	0
MIR1251	0
MIR135A2	0
FAM71C	0
MIR1827	0
SLC17A8	0

NR1H4	0
ANO4	0
SPIC	0
MYBPC1	0
ASCL1	0
MIR3922	0
RFX4	0
ASCL4	0
WSCD2	0
DAO	0
MIR4497	0
CCDC63	0
LOC100131138	0
TBX5-AS1	0
HSPB8	0
CCDC60	0
TMEM233	0
P2RX7	0
MIR5188	0
LOC100128554	0
TMEM132C	0
MIR3612	0
FZD10	0
PIWIL1	0
MMP17	0
FAM138D	0
LOC574538	0
MIR3649	0
CACNA1C-AS4	0
CACNA1C-AS1	0
LOC283440	0
FGF23	0
FGF6	0
SCARNA11	0
CD163	0
APOBEC1	0
GDF3	0
CLEC4C	0
CLEC4E	0
PZP	0
A2MP1	0
MIR1244-1	0
KLRB1	0
CD69	0
CLEC2A	0
CLEC1B	0
CLEC1A	0
OLR1	0
KLRC4,KLRC4-KLRK1,KLRK1	0
KLRC3	0
KLRC1	0
TAS2R7	0
TAS2R8	0
TAS2R9	0
TAS2R42	0
PRB4	0
PRB1	0
PRB2	0
RNU6-19	0
C12orf36	0
GRIN2B	0
ART4	0
MGP	0
ERP27	0
RERG	0
SLC15A5	0
LMO3	0
REGL	0
PLCZ1	0
KCNJ8	0
SOX5	0
LINC00477	0
C12orf77	0
MIR4302	0
LOC100506451	0
MANSC4	0
OVCH1	0
TMTC1	0
RNU6-78	0

SYT10	0
CPNE8	0
ABCD2	0
ADAMTS20	0
DBX2	0
RNY5	0
AMIGO2	0
PCED1B-AS1	0
OR10AD1	0
MIR4701	0
C1QL4	0
LOC283332	0
MIR1293	0
FIGNL2	0
KRT84	0
KRT82	0
KRT75	0
KRT6B	0
KRT6C	0
KRT6A	0
KRT71	0
KRT74	0
KRT72	0
KRT2	0
KRT77	0
KRT76	0
KRT3	0
KRT78	0
HOXC-AS5	0
GTSF1	0
PPP1R1A	0
GLYCAM1	0
LACRT	0
TESPA1	0
OR6C6	0
OR6C70	0
SNORD59B	0
SNORD59A	0
TAC3	0
B4GALNT1	0
MIR26A2	0
AVPR1A	0
C12orf56	0
WIF1	0
IFNG	0
IL26	0
IL22	0
SNORA70G	0
MIR1279	0
MIR3913-1	0
TSPAN8	0
TRHDE-AS1	0
LOC100507377	0
KCNC2	0
LIN7A	0
MIR617	0
MIR618	0
PPFIA2	0
SLC6A15	0
TSPAN19	0
RASSF9	0
MGAT4C	0
MIR548AL	0
MKRN9P	0
CCER1	0
EPYC	0
KERA	0
LUM	0
DCN	0
CLLU1OS	0
LOC643339	0
MIR4303	0
SLC9A7P1	0
SLC5A8	0
PAH	0
C12orf42	0
LOC100287944	0
LOC728739	0
LHX5	0

TBX5	0
MIR620	0
MIR4472-2	0
KSR2	0
LOC144742	0
MIR4498	0
MORN3	0
IL31	0
MIR4304	0
LOC400084	0
LOC440117	0
TMEM132D	0
LOC100190940	0
FLJ31485	0
LRCOL1	0
ANHX	0
LINC00442	0
RNU6-52	0
LINC00421	0
LINC00327	0
TNFRSF19	0
MIR2276	0
RNF17	0
ATP8A2	0
SNORD102	0
GSX1	0
LINC00544	0
LINC00398	0
MEDAG	0
TEX26	0
EEF1DP3	0
KL	0
SPG20OS	0
CCNA1	0
SERTM1	0
LINC00547	0
LINC00366	0
LINC00332	0
RGCC	0
TNFSF11	0
FAM216B	0
DNAJC15	0
LINC00284	0
SERP2	0
CYSLTR2	0
ARL11	0
MIR4703	0
MIR759	0
OLFM4	0
LINC00558	0
MIR5007	0
PRR20B	0
PRR20D	0
PRR20E	0
PRR20A	0
PCDH17	0
DIAPH3-AS1	0
DIAPH3-AS2	0
PCDH9-AS2	0
PCDH9-AS3	0
ATXN8OS	0
LINC00348	0
LINC00381	0
LINC00347	0
BTF3P11	0
IRG1	0
MYCBP2-AS1	0
SCEL	0
SLAIN1	0
LINC00446	0
LINC00333	0
LINC00351	0
SLITRK5	0
LINC00433	0
MIR622	0
GPC6	0
CLDN10	0
HS6ST3	0

MIR3170	0
FKSG29	0
MIR623	0
MIR4306	0
ITGBL1	0
FGF14-AS2	0
DAOA	0
LINC00343	0
LINC00551	0
LINC00443	0
SOX1	0
SPACA7	0
C13orf35	0
GRK1	0
TMEM255B	0
TUBA3C	0
ANKRD26P3	0
GJB2	0
GJB6	0
MIR4499	0
LINC00424	0
BASP1P1	0
SPATA13-AS1	0
AMER2	0
SHISA2	0
PRHOXNB	0
FLT3	0
LINC00297	0
TEX26-AS1	0
LINC00423	0
LINC00457	0
MAB21L1	0
DCLK1	0
CCDC169,CCDC169-SOHLH2,SC	0
SPG20	0
CSNK1A1L	0
POSTN	0
TRPC4	0
STOML3	0
LHFP	0
MIR4305	0
LINC00548	0
MIR320D1	0
EPST11	0
SMIM2-IT1	0
FAM194B	0
KIAA0226L	0
HTR2A	0
LINC00462	0
MIR3613	0
MIR16-1	0
MIR15A	0
RNASEH2B-AS1	0
GUCY1B2	0
MIR5693	0
MIR1297	0
MIR3169	0
PCDH20	0
PCDH9	0
LINC00550	0
KLHL1	0
CTAGE11P	0
MIR3665	0
EDNRB	0
LINC00331	0
NDFIP2-AS1	0
SLITRK1	0
SLITRK6	0
MIR4500HG	0
MIR4500	0
LINC00353	0
LINC00559	0
LINC00379	0
GPC5-AS1	0
GPC6-AS2	0
SOX21	0
CLDN10-AS1	0
LINC00359	0
OXGR1	0

RNF113B	0
MIR548AN	0
PCCA-AS1	0
NALCN	0
FGF14	0
MIR2681	0
MIR4705	0
FGF14-IT1	0
METTL21C	0
CCDC168	0
SLC10A2	0
MIR548AS	0
DAOA-AS1	0
FAM155A	0
MYO16-AS1	0
COL4A2-AS1	0
ATP4B	0
LINC00552	0
OR11H12	0
POTEG	0
LOC101101776	0
OR4Q3	0
OR4M1	0
OR4N2	0
OR4K2	0
OR4K5	0
OR4K1	0
OR4K15	0
OR4L1	0
OR4K17	0
OR4N5	0
OR11G2	0
OR11H6	0
RNASE10	0
EDDM3A	0
EDDM3B	0
RNASE6	0
TPPP2	0
RNASE8	0
OR4E2	0
PSMB11	0
IL25	0
CMTM5	0
CPNE6	0
MIR4307	0
LINC00645	0
FOXP1	0
IGBP1P1	0
LINC00609	0
MIA2	0
LRFN5	0
SNORD127	0
GNG2	0
PTGDR	0
OTX2-AS1	0
LRRC9	0
SIX6	0
FLJ22447	0
SYT16	0
LINC00643	0
RHOJ	0
MIR4706	0
FAM71D	0
SNORD56B	0
RGS6	0
MIR4505	0
VSX2	0
VRTN	0
BATF	0
C14orf166B	0
MIR1260A	0
DIO2-AS1	0
TSHR	0
FLRT2	0
LOC283585	0
KCNK13	0
LINC00642	0
FAM181A	0
LINC00521	0

SERPINA4	0
SERPINA5	0
SERPINA13P	0
TCL6	0
TCL1B	0
LINC00617	0
C14orf132	0
BDKRB2	0
BDKRB1	0
C14orf177	0
MIR5698	0
EML1	0
EVL	0
MIR345	0
SLC25A47	0
LINC00523	0
DLK1	0
MIR2392	0
MEG3,MIR770	0
MIR493	0
MIR337	0
MIR665	0
MIR431	0
MIR433	0
MIR127	0
MIR432	0
MIR136	0
MEG8	0
SNORD113-1	0
SNORD113-2	0
SNORD113-4	0
SNORD113-5	0
SNORD113-6	0
SNORD113-7	0
SNORD113-9	0
SNORD114-1	0
SNORD114-2	0
SNORD114-3	0
SNORD114-4	0
SNORD114-5	0
SNORD114-6	0
SNORD114-7	0
SNORD114-8	0
SNORD114-9	0
SNORD114-10	0
SNORD114-11	0
SNORD114-12	0
SNORD114-13	0
SNORD114-14	0
SNORD114-15	0
SNORD114-16	0
SNORD114-17	0
SNORD114-18	0
SNORD114-19	0
SNORD114-20	0
SNORD114-21	0
SNORD114-22	0
SNORD114-23	0
SNORD114-24	0
SNORD114-25	0
SNORD114-26	0
SNORD114-27	0
SNORD114-28	0
SNORD114-29	0
SNORD114-30	0
SNORD114-31	0
MIR379	0
MIR411	0
MIR299	0
MIR380	0
MIR1197	0
MIR323A	0
MIR758	0
MIR329-1	0
MIR329-2	0
MIR494	0
MIR1193	0
MIR543	0
MIR495	0

MIR376C	0
MIR376A2	0
MIR654	0
MIR376B	0
MIR376A1	0
MIR300	0
MIR1185-1	0
MIR1185-2	0
MIR381	0
MIR487B	0
MIR539	0
MIR889	0
MIR655	0
MIR487A	0
MIR382	0
MIR134	0
MIR668	0
MIR485	0
MIR323B	0
MIR154	0
MIR496	0
MIR377	0
MIR541	0
MIR409	0
MIR412	0
MIR369	0
MIR410	0
MIR656	0
MEG9	0
DIO3	0
MIR4309	0
ASPG	0
MIR203	0
KIAA0125	0
LINC00226	0
LINC00221	0
LOC642426	0
LOC101101776	0
POTEM	0
OR4K14	0
OR4K13	0
SNORD126	0
RNASE9	0
OR6S1	0
RNASE1	0
RNASE13	0
OR5AU1	0
SALL2	0
OR10G3	0
OR10G2	0
CEBPE	0
SLC7A8	0
SLC22A17	0
EFS	0
MIR208A	0
MYH7	0
MIR208B	0
RIPK3	0
CMA1	0
CTSG	0
GZMH	0
GZMB	0
NOVA1	0
MIR548A1	0
MIR624	0
GPR33	0
SFTA3	0
NKX2-1	0
NKX2-8	0
MIR4503	0
CLEC14A	0
LINC00639	0
FSCB	0
RPL10L	0
MDGA2	0
MIR548Y	0
LINC00648	0
FRMD6-AS2	0
MIR5580	0

MIR4308	0
C14orf39	0
TMEM30B	0
KCNH5	0
GPHB5	0
MIR4708	0
CCDC177	0
SLC8A3	0
RNU6-6	0
ZDHC22	0
NGB	0
GALC	0
KCNK10	0
TTC7B	0
CATSPERB	0
PRIMA1	0
FAM181A-AS1	0
ASB2	0
SERPINA6	0
SERPINA11	0
SERPINA9	0
SERPINA12	0
GSC	0
MIR3173	0
SYNE3	0
TCL1A	0
LOC100129345	0
C14orf64	0
RTL1	0
DIO3OS	0
MIR1247	0
LINC00605	0
RD3L	0
MIR3545	0
TMEM179	0
MIR4710	0
ELK2AP	0
ADAM6	0
CHEK2P2	0
GOLGA8CP	0
CT60	0
OR4M2	0
OR4N4	0
OR4N3P	0
REREP3	0
GOLGA6L1	0
MKRN3	0
PWRN1	0
SNORD109A	0
SNORD116-1	0
SNORD116-2	0
SNORD116-9	0
SNORD116-4	0
SNORD116-5	0
SNORD116-6	0
SNORD116-7	0
SNORD116-8	0
SNORD116-9	0
SNORD116-10	0
SNORD116-11	0
SNORD116-12	0
SNORD116-13	0
SNORD116-14	0
SNORD116-15	0
SNORD116-16	0
SNORD116-17	0
SNORD116-18	0
SNORD116-19	0
SNORD116-20	0
SNORD116-21	0
SNORD116-22	0
SNORD116-23	0
SNORD116-24	0
SNORD116-25	0
SNORD116-26	0
SNORD116-27	0
SNORD116-28	0
SNORD116-29	0
IPW	0

PAR1	0
SNORD115-1	0
SNORD115-2	0
SNORD115-3	0
SNORD115-4	0
SNORD115-5	0
SNORD115-6	0
SNORD115-7	0
SNORD115-8	0
SNORD115-9	0
SNORD115-10	0
SNORD115-43	0
SNORD115-10	0
SNORD115-13	0
SNORD115-14	0
SNORD115-16	0
SNORD115-18	0
SNORD115-18	0
SNORD115-17	0
SNORD115-15,SNORD115-20,SN	0
SNORD115-22	0
PAR4	0
SNORD115-24	0
SNORD115-25	0
SNORD115-26	0
SNORD115-27	0
SNORD115-28	0
SNORD115-11	0
SNORD115-30	0
SNORD115-31	0
SNORD115-32	0
SNORD115-33	0
SNORD115-35	0
SNORD115-11	0
SNORD115-37	0
SNORD115-38	0
SNORD115-39	0
SNORD115-40	0
SNORD115-41	0
SNORD115-10	0
SNORD115-11	0
SNORD115-44	0
SNORD115-45	0
SNORD115-47	0
SNORD115-48	0
SNORD109B	0
LOC100128714	0
LOC503519	0
GABRA5	0
GABRG3	0
GOLGA8F,GOLGA8G	0
MIR4509-1	0
LOC100289656	0
ULK4P3	0
ULK4P2	0
GREM1	0
MIR4510	0
TMCO5A	0
C15orf53	0
C15orf54	0
THBS1	0
PHGR1	0
MIR626	0
ADAL	0
RNU6-28	0
C15orf43	0
DUXA2	0
SEMA6D	0
SLC24A5	0
CTXN2	0
SLC12A1	0
MIR4712	0
MIR4713	0
GLDN	0
UNC13C	0
AQP9	0
LIPC	0
FOXB1	0
MIR190A	0

KBTBD13	0
MIR4311	0
MIR548H4	0
NOX5,SPESP1	0
LINC00277	0
LINC00593	0
TMEM202	0
MIR630	0
GOLGA6B	0
C15orf60	0
TBC1D21	0
ISLR2	0
ISLR	0
CCDC33	0
GOLGA6D	0
LOC253044	0
MIR5003	0
CRABP1	0
MIR184	0
ANKRD34C	0
LOC390660	0
UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	0
GOLGA6L9	0
LOC440297	0
LOC390660	0
LOC440297	0
LOC283692	0
SCARNA15	0
MIR4515	0
TM6SF1	0
ADAMTSL3	0
EFTUD1P1	0
AGBL1	0
LINC00052	0
NTRK3-AS1	0
MIR1179	0
MIR7-2	0
ACAN	0
MIR9-3	0
LOC254559	0
ST8SIA2	0
C15orf32	0
MIR3175	0
MIR1469	0
SPATA8	0
MIR4714	0
OR4F6	0
OR4F15	0
OR4F13P	0
FAM138E	0
GOLGA6L6	0
POTEB	0
NF1P2	0
CXADRP2	0
POTEB	0
NF1P2	0
MIR4509-3	0
LOC440243	0
MIR4508	0
MAGEL2	0
NDN	0
PWRN2	0
ATP10A	0
MIR4715	0
MIR4509-1	0
GOLGA8F,GOLGA8G	0
GOLGA6L7P	0
FAM189A1	0
TRPM1	0
MIR211	0
LOC283710	0
TMCO5B	0
MIR1233-2	0
MIR1233-1	0
GJD2	0
MIR3942	0
LOC145845	0
MIR4310	0
PLA2G4F	0

MIR627	0
EPB42	0
TGM5	0
TGM7	0
LCMT2	0
MIR4716	0
CYP19A1	0
MIR1266	0
WDR72	0
MIR628	0
PYGO1	0
PRTG	0
ALDH1A2	0
MIR2116	0
C2CD4B	0
MGC15885	0
MIR1272	0
RASL12	0
MIR4511	0
SNORD18C	0
SNORD18B	0
SNORD16	0
SNORD18A	0
MIR4312	0
MIR629	0
LARP6	0
CT62	0
GRAMD2	0
HCN4	0
C15orf59	0
GOLGA6A	0
CYP11A1	0
MIR4513	0
MIR631	0
MIR4313	0
LINGO1	0
LOC645752	0
CHRNA4	0
ADAMTS7	0
LOC729911	0
LOC283688	0
MIR549	0
MIR4514	0
LOC440297	0
AP3B2	0
HDGFRP3	0
BNC1	0
LOC642423	0
MIR1276	0
LOC727915	0
NTRK3	0
MIR3529	0
RLBP1	0
RHCG	0
LOC283761	0
MIR5094	0
GABARAPL3	0
RGMA	0
LOC400456	0
FAM169B	0
DNM1P46	0
OR4F4	0
DDX11L9	0
DDX11L10	0
HBM	0
HBQ1	0
MIR5587	0
MIR3176	0
MIR662	0
TPSAB1	0
TPSD1	0
MIR3177	0
RNF151	0
MIR4516	0
MIR3677	0
MIR940	0
MIR4717	0
NTN3	0
PRSS41	0

PRSS21	0
ZG16B	0
OR1F1	0
OR1F2P	0
OR2C1	0
RBF0X1	0
MIR548X	0
MIR4718	0
MIR193B	0
MIR365A	0
MIR3179-3	0
MIR3180-3	0
MIR3179-1	0
MIR3180-1	0
ABCC6P1	0
CLEC19A	0
ACSM2A	0
MIR548D2	0
SCNN1G	0
SCNN1B	0
CHP2	0
CACNG3	0
HS3ST4	0
C16orf82	0
MIR4517	0
LOC606724	0
SLX1A,SLX1B,SULT1A3	0
ZG16	0
C16orf92	0
MIR4518	0
AHSP	0
TP53TG3D	0
TP53TG3,TP53TG3B	0
TP53TG3,TP53TG3B	0
LOC283914	0
MIR548AE2	0
C16orf78	0
MMP2	0
SLC6A2	0
CES1P2	0
CES1P1	0
MIR3935	0
MT4	0
MT3	0
MIR138-2	0
SLC12A3	0
CETP	0
CX3CL1	0
CCL17	0
TEPP	0
LRRC36	0
CDH1	0
MIR140	0
MIR1972-2	0
SNORD111B	0
SNORD111	0
CHST4	0
HPR	0
HTA	0
LOC100506172	0
CTRB1	0
CNTNAP4	0
MIR4719	0
CLEC3A	0
DYNLRB2	0
BCMO1	0
MIR4720	0
HSD17B2	0
MIR3182	0
ADAD2	0
WFDC1	0
LOC400548	0
IRF8	0
LOC146513	0
MIR5189	0
TPSG1	0
TPSB2	0
LINC00254	0
HS3ST6	0

MIR1225	0
MIR3180-5	0
SNORD60	0
MIR3178	0
C16orf90	0
TMEM114	0
GRIN2A	0
TNP2	0
PRM3	0
PRM2	0
PRM1	0
ABCC6P2	0
MIR3180-4	0
MIR3180-1	0
MIR3179-1	0
GPRC5B	0
GPR139	0
GP2	0
UMOD	0
PDILT	0
ACSM2B	0
ZP2	0
IGSF6	0
MIR548AA2	0
IL27	0
BOLA2B	0
LOC388242	0
BOLA2B	0
MIR4519	0
COX6A2	0
LOC390705	0
TP53TG3	0
LOC390705	0
RNU6-76	0
LOC146481	0
LOC100130700	0
ABCC12	0
CBLN1	0
SALL1	0
C16orf97	0
LOC100505619	0
TOX3	0
LOC643714	0
LOC643802	0
IRX3	0
CES1	0
CES5A	0
LOC283856	0
DKFZP434H168	0
LOC644649	0
CDH8	0
CDH16	0
MIR328	0
AGRP	0
DPEP3	0
MIR1538	0
SNORA70D	0
SNORD71	0
CTRB2	0
ADAMTS18	0
SDR42E1	0
KCNG4	0
FAM92B	0
MIR5093	0
MIR1910	0
LOC732275	0
CA5A	0
MIR4722	0
LOC100506388	0
BHLHA9	0
OR1A2	0
OR1A1	0
OR1D4	0
OR3A4P	0
OR3A3	0
ASPA	0
TM4SF5	0
LOC100130950	0
WSCD1	0

MIR4520B	0
ALOX15P1	0
FBXO39	0
ALOX12P2	0
TMEM95	0
RPL29P2	0
SCARNA21	0
MIR4314	0
MIR4521	0
MIR3676	0
ARHGEF15	0
ODF4	0
GLP2R	0
TMEM220-AS1	0
SHISA6	0
MIR744	0
LINC00670	0
MYOCD	0
CDRT7	0
CDRT15P2	0
MIR1288	0
SNORD49A	0
SMCR9	0
EVPLL	0
LOC339240	0
LGALS9C	0
SLC47A1	0
SNORA59B	0
CDRT15L2	0
FAM27L	0
FLJ36000	0
TBC1D3P5	0
PPY2	0
MIR4723	0
SLC13A2	0
FOXN1	0
SNORD42B	0
SNORD4A	0
SNORD42A	0
MIR451B	0
MIR423	0
TBC1D29	0
MIR193A	0
MIR4725	0
MIR365B	0
CCL2	0
CCL7	0
CCL11	0
CCL8	0
CCL13	0
TMEM132E	0
SNORD7	0
CCL18	0
CCL4	0
CCL4L1	0
CCL4L2	0
MIR2909	0
MIR4726	0
MIR4727	0
PPP1R1B	0
PNMT	0
MIR4728	0
ZPBP2	0
LRRC3C	0
SNORD124	0
KRTAP9-1	0
KRTAP9-2	0
KRTAP9-3	0
KRTAP9-8	0
KRTAP9-4	0
KRTAP9-9	0
LOC100505782	0
GAST	0
RAMP2	0
MIR2117	0
C17orf105	0
SPPL2C	0
MAPT-IT1	0
STH	0

NSFP1	0
WNT9B	0
MIR5089	0
ITGB3	0
TBX21	0
B4GALNT2	0
FLJ40194	0
SGCA	0
ABCC3	0
WFIKKN2	0
C17orf112	0
KIF2B	0
NOG	0
RNF126P1	0
OR4D1	0
MSX2P1	0
OR4D2	0
LPO	0
MIR4729	0
MIR21	0
CA4	0
TBX4	0
MIR548W	0
MIR634	0
CACNG5	0
MIR4524B	0
MAP2K6	0
KCNJ16	0
KCNJ2	0
LOC400620	0
DNAI2	0
KIF19	0
GPR142	0
C17orf77	0
OTOP3	0
MIR3678	0
RNF157-AS1	0
SNORD1C	0
SNORD1B	0
SNORD1A	0
LOC100507351	0
C17orf99	0
TMEM235	0
ENPP7	0
MIR4730	0
MIR3065	0
AATK-AS1	0
GCCR	0
UTS2R	0
MIR3183	0
RTN4RL1	0
MIR132	0
MIR212	0
SNORD91B	0
SNORD91A	0
MIR1253	0
OR1D5	0
OR1D2	0
OR1G1	0
OR3A2	0
OR3A1	0
OR1E1	0
OR1E2	0
SPATA22	0
TRPV3	0
ALOX15	0
ZNF594	0
SCIMP	0
MIR4520A	0
MIR195	0
MIR497	0
CLEC10A	0
ASGR2	0
MIR324	0
SPDYE4	0
MFS6L	0
PIK3R6	0
DHRSTC	0
RCVRN	0

MYH13	0
MYH8	0
MYH4	0
MYH2	0
LINC00675	0
PIRT	0
HS3ST3A1	0
MIR4731	0
KRT16P2	0
TNFRSF13B	0
MIR33B	0
MIR1180	0
ALDH3A1	0
LGALS9B	0
CCDC144NL	0
MIR4522	0
SEBOX	0
MIR451A	0
MIR144	0
MIR4732	0
MIR3184	0
TMIGD1	0
MIR4733	0
ASIC2	0
AA06	0
CCL1	0
C17orf102	0
SLFN11	0
SLFN12	0
SLFN12L	0
MMP28	0
LYZL6	0
CCL16	0
CCL14,CCL15	0
CCL23	0
CCL3L1	0
TBC1D3	0
MIR4734	0
FBXO47	0
ARL5C	0
CCR7	0
KRT24	0
KRT25	0
KRT26	0
KRT27	0
KRT28	0
KRT23	0
KRT39	0
KRT40	0
KRTAP3-1	0
KRTAP1-5	0
KRTAP1-4	0
KRTAP1-3	0
KRTAP4-12	0
KRTAP4-4	0
KRTAP4-3	0
KRTAP4-2	0
KRTAP4-1	0
KRTAP29-1	0
KRTAP16-1	0
KRTAP17-1	0
KRT33A	0
KRT33B	0
KRT31	0
KRT37	0
KRT38	0
KRT32	0
KRT35	0
KRT36	0
KRT13	0
LOC147093	0
KRT9	0
KRT14	0
HAP1	0
KCNH4	0
SOST	0
C1QL1	0
LOC644172	0
MAPT-AS1	0

MIR152	0
SKAP1	0
MIR1203	0
HOXB1	0
MIR10A	0
MIR196A1	0
PRAC	0
MIR3185	0
GIP	0
GNGT2	0
HILS1	0
LINC00483	0
CA10	0
TMEM100	0
MTVR2	0
MPO	0
BZRAP1	0
MIR142	0
MIR4736	0
MIR454	0
MIR301A	0
MIR4737	0
MARCH10	0
CSH2	0
GH2	0
CSH1	0
CSHL1	0
GH1	0
PECAM1	0
APOH	0
MIR635	0
ABCA8	0
ABCA6	0
MIR4524A	0
KCNJ2-AS1	0
LINC00469	0
CD300LB	0
CD300LD	0
CD300LF	0
FADS6	0
MIR4738	0
ST6GALNAC1	0
MIR4316	0
LOC100507410	0
MIR4739	0
MIR657	0
MIR338	0
MIR1250	0
TMEM105	0
MIR4740	0
MIR3186	0
CETN1	0
ADCYAP1	0
DLGAP1-AS3	0
DLGAP1-AS5	0
LOC645355	0
MIR3976	0
LOC100130480	0
ARHGAP28	0
LRRC30	0
RAB31	0
TXNDC2	0
APCDD1	0
C18orf61	0
CIDEA	0
MIR5190	0
MIR4526	0
MCSR	0
ANKRD30B	0
MIR3156-2	0
MIR320C1	0
LAMA3	0
MIR320C2	0
LOC729950	0
PSMA8	0
MIR302F	0
DSG1	0
DSG4	0
TTR	0

ASXL3	0
DTNA	0
MIR3975	0
MIR4318	0
MIR5583-1	0
MIR4743	0
MIR1539	0
MAPK4	0
LOC100287225	0
DCC	0
DYNAP	0
MIR4529	0
BOD1L2	0
MIR122	0
OACYLP	0
GRP	0
SERPINB12	0
SERPINB13	0
SERPINB11	0
SERPINB10	0
LOC284294	0
CDH7	0
MIR5011	0
LOC643542	0
DOK6	0
C18orf63	0
LOC339298	0
GALR1	0
SALL3	0
KCNG2	0
COLEC12	0
C18orf42	0
EPB41L3	0
TMEM200C	0
L3MBTL4	0
MIR4317	0
LINC00668	0
LOC100192426	0
PIEZO2	0
LOC100288122	0
CXADRP3	0
POTEC	0
LOC644669	0
MIR133A1	0
MIR1-2	0
CTAGE1	0
ANKRD29	0
LOC728606	0
AQP4	0
CHST9	0
DSC2	0
DSC1	0
CCDC178	0
NOL4	0
ZNF396	0
MIR187	0
MIR5583-2	0
KC6	0
RIT2	0
SYT4	0
MIR4319	0
LOXHD1	0
TCEB3CL2	0
TCEB3CL2	0
TCEB3C	0
TCEB3B	0
ZBTB7C	0
MIR4744	0
MIR4320	0
STARD6	0
CCDC68	0
TCF4	0
LOC100505474	0
MIR3591	0
RAX	0
CPLX4	0
MC4R	0
SERPINB4	0
SERPINB3	0

LINC00305	0
LOC400654	0
CDH19	0
LOC100505776	0
CBLN2	0
NETO1	0
LOC400655	0
FAM69C	0
C18orf62	0
OR4F17	0
FGF22	0
PALM	0
MIR4745	0
MIR3187	0
KISS1R	0
ONECUT3	0
GIPC3	0
NMRK2	0
MIR4746	0
MIR7-3	0
MIR4747	0
ZNRF4	0
CATSPERD	0
MBD3L5	0
MBD3L2	0
RETN	0
CCL25	0
CERS4	0
OR2Z1	0
MBD3L1	0
OR1M1	0
OR7E24	0
RDH8	0
C3P1	0
SNORD105	0
SNORD105B	0
MIR4322	0
MIR1238	0
MIR638	0
MIR4748	0
TSPAN16	0
BEST2	0
MIR181C	0
OR7C2	0
CCDC105	0
OR111	0
MIR1470	0
CYP4F22	0
CYP4F8	0
CYP4F12	0
OR10H2	0
OR10H3	0
OR10H5	0
OR10H4	0
LINC00661	0
FLJ25328	0
B3GNT3	0
MIR3188	0
MIR3189	0
ZNF257	0
ZNF729	0
LOC440518	0
ZNF726	0
LOC148145	0
LOC100505835	0
VSTM2B	0
ZNF536	0
DKFZp566F0947	0
THEG5	0
CHST8	0
SCGB2B3P	0
HPN	0
MAG	0
FFAR1	0
FFAR3	0
LOC100128682	0
KIRREL2	0
LOC100134317	0
LGALS7B	0

IFNL2	0
IFNL1	0
SELV	0
LGALS13	0
LGALS16	0
LGALS17A	0
LGALS14	0
LEUTX	0
CYP2B7P1	0
CYP2B6	0
CYP2A13	0
C19orf69	0
CEACAM21	0
CEACAM5	0
CEACAM6	0
CEACAM3	0
DMRTC2	0
LOC100289650	0
PRG1	0
CD177	0
CEACAM16	0
CBLC	0
MIR642A	0
MIR769	0
DKFZp434J0226	0
IGFL1	0
MIR3190	0
SNORD23	0
SNAR-A13	0
SNAR-C2	0
SNAR-A2	0
SNAR-A8	0
SNAR-C5	0
SNAR-A2	0
SNAR-C4	0
SNAR-A13	0
SNAR-C3	0
SNAR-C5	0
ELSPBP1	0
SNAR-G1	0
SNORD32A	0
SNORD34	0
SNORD35B	0
MIR5088	0
MIR4749	0
MIR4750	0
KLK2	0
SIGLEC17P	0
SIGLECL1	0
CEACAM18	0
MIR99B	0
MIRLET7E	0
MIR125A	0
FPR2	0
MIR643	0
ZNF534	0
ERVV-2	0
FAM90A27P	0
DPRX	0
MIR512-2	0
MIR512-2	0
MIR1323	0
MIR498	0
MIR520E	0
MIR515-2	0
MIR519E	0
MIR520F	0
MIR515-1	0
MIR519C	0
MIR1283-1	0
MIR520A	0
MIR526B	0
MIR519B	0
MIR525	0
MIR523	0
MIR518F	0
MIR520B	0
MIR518B	0
MIR526A1	0

MIR520C	0
MIR518C	0
MIR524	0
MIR517A	0
MIR519D	0
MIR521-2	0
MIR520D	0
MIR517B	0
MIR520G	0
MIR516B2	0
MIR526A2	0
MIR518E	0
MIR518A1	0
MIR518D	0
MIR516B1	0
MIR518A2	0
MIR517C	0
MIR520H	0
MIR521-1	0
MIR522	0
MIR519A1	0
MIR527	0
MIR516A1	0
MIR1283-2	0
MIR516A2	0
MIR519A2	0
MIR371A	0
MIR372	0
MIR373	0
MIR4752	0
KIR3DX1	0
LILRA1	0
LILRB4	0
LILRP2	0
KIR3DL3	0
KIR2DL3	0
KIR2DL1	0
KIR2DL4,LOC100287534	0
KIR3DL1	0
KIR2DS4	0
KIR3DL2	0
NCR1	0
NLRP2	0
NLRP5	0
GALP	0
LOC100128252	0
ZNF471	0
ZNF470	0
PEG3-AS1	0
MIMT1	0
ZNF530	0
ZNF134	0
ZSCAN4	0
LOC100128398	0
ZSCAN1	0
ZNF135	0
LOC646862	0
FAM138A	0
THEG	0
LPPR3	0
MIR1227	0
RAX2	0
SNORD37	0
ARRDC5	0
MBD3L4	0
CLEC4G	0
CD209	0
LOC388499	0
MIR4999	0
ADAMTS10	0
ACTL9	0
MUC16	0
OR7G2	0
OR7G1	0
OR7G3	0
OR7D4	0
ZNF560	0
ZNF812	0
S1PR5	0

MIR199A1	0
SNORD41	0
MIR27A	0
MIR23A	0
EMR3	0
OR7C1	0
OR7A5	0
OR7A10	0
OR7A17	0
RASAL3	0
PGLYRP2	0
CYP4F24P	0
IL12RB1	0
LOC729966	0
COMP	0
HAPLN4	0
MIR1270-2	0
ZNF826P	0
MIR1270-2	0
ZNF676	0
ZNF98	0
ZNF728	0
LOC284395	0
TSHZ3	0
SCGB2B2	0
LOC400685	0
LOC100652909	0
LOC100128675	0
TYROBP	0
LOC100631378	0
PPP1R14A	0
LGALS7	0
SYCN	0
IFNL3	0
IFNL4	0
MIR4530	0
CLC	0
MIR641	0
CYP2A7	0
LOC100505495	0
CEACAM4	0
CEACAM7	0
LYPD4	0
MIR4323	0
PSG8	0
PSG10P	0
PSG1	0
PSG6	0
PSG7	0
PSG2	0
LOC284344	0
CEACAM20	0
MIR4531	0
MIR330	0
MIR642B	0
NANOS2	0
NOVA2	0
IGFL3	0
RNU6-66	0
CCDC8	0
PNMAL2	0
MIR320E	0
SNAR-E	0
ZNF541	0
TPRX1	0
SULT2A1	0
BSPH1	0
SNAR-G2	0
CGB1	0
MIR4324	0
MIR150	0
TSKS	0
SNAR-A8	0
SNAR-A4	0
SNAR-A10	0
SNAR-A7	0
SNAR-A14	0
SNAR-A3	0
SNAR-A6	0

SNAR-A10	0
SNAR-A8	0
SNAR-B1	0
SNAR-B2	0
SNAR-D	0
IZUMO2	0
KCNC3	0
NAPSB	0
SNORD88B	0
SNORD88A	0
SNORD88C	0
KLK5	0
KLK8	0
KLK9	0
KLK10	0
KLK11	0
KLK12	0
KLK13	0
SIGLEC8	0
SIGLEC12	0
SIGLEC6	0
FPR1	0
ZNF415	0
VN1R4	0
BIRC8	0
MIR371B	0
TARM1	0
LILRB5	0
LILRB2	0
LILRA3	0
LILRA4	0
NLRP7	0
RNU6-64	0
FAM71E2	0
SBK2	0
SGK110	0
NLRP13	0
ZIM3	0
ZNF418	0
ZNF256	0
C19orf18	0
ZNF606	0
MIR4754	0
TPO	0
LOC730811	0
SOX11	0
LOC150622	0
LOC400940	0
KCNF1	0
MIR3125	0
MYCN	0
MSGN1	0
KCNS3	0
MIR4757	0
FLJ12334	0
GDF7	0
C2orf70	0
TCF23	0
DNAJC5G	0
MIR4263	0
SNORD92	0
SNORD53	0
EHD3	0
MIR558	0
MIR4765	0
LINC00486	0
LOC100271832	0
VIT	0
CYP1B1-AS1	0
SLC8A1-AS1	0
LOC388942	0
ABCG8	0
EPCAM	0
MIR559	0
CCDC85A	0
FLJ30838	0
MIR5192	0
MIR4434	0
LOC339807	0

PLEK	0
PROKR1	0
GKN1	0
ANTXR1	0
MIR3126	0
OR7E91P	0
EMX1	0
NOTO	0
DCTN1-AS1	0
MIR5000	0
REG3G	0
REG1A	0
LOC1720	0
FUNDC2P2	0
RGPD1,RGPD2	0
MIR4435-1	0
SMYD1	0
THNSL2	0
TEX37	0
MIR4436A	0
ACTR3BP2	0
MAL	0
TRIM43	0
MIR3127	0
VWA3B	0
CNGA3	0
NMS	0
MIR5696	0
IL1R2	0
IL1RL2	0
MIR4772	0
LOC150568	0
POU3F3	0
PLGLA	0
SLC5A7	0
SULT1C3	0
SULT1C2	0
SULT1C2P1	0
SULT1C4	0
LIMS3L	0
LOC100507334	0
MIR4436B2	0
ACOXL	0
IL36A	0
IL36RN	0
IL1F10	0
IL1RN	0
FAM138B	0
DPP10	0
MARCO	0
PCDP1	0
GLI2	0
CNTNAP5	0
GYPC	0
GPR17	0
CFC1B	0
LOC646743,TISP43	0
CYP4F30P	0
GPR148	0
POTEE	0
LOC440910	0
LOC389043	0
RNU6-81	0
MIR3679	0
ACMSD	0
MIR128-1	0
LOC100507600	0
THSD7B	0
ARHGAP15	0
ZEB2-AS1	0
DKFZp686O1327	0
LYPD6B	0
TNFAIP6	0
MIR4773-1	0
GALNT13	0
GALNT5	0
CCDC148-AS1	0
DAPL1	0
TBR1	0

CSRNP3	0
XIRP2	0
MIR4774	0
G6PC2	0
MYO3B	0
LOC285084	0
SP9	0
HOXD12	0
HOXD11	0
HOXD10	0
MIR10B	0
OSBPL6	0
ITGA4	0
PPP1R1C	0
ZNF804A	0
MIR561	0
COL3A1	0
MIR1245A	0
PCGEM1	0
PLCL1	0
CDK15	0
SNORD70	0
SNORD11B	0
SNORD11	0
CD28	0
ICOS	0
SNORD51	0
ADAM23	0
LOC200726	0
MIR3130-2	0
LOC100507443	0
PTH2R	0
UNC80	0
CPS1-IT1	0
VWC2L	0
VWC2L-IT1	0
MIR26B	0
VIL1	0
WNT6	0
CDK5R2	0
LINC00608	0
LOC100129175	0
CCDC140	0
MOGAT1	0
KCNE4	0
NYAP2	0
MIR548AR	0
LOC646736	0
CCL20	0
SPATA3	0
MIR4777	0
C2orf57	0
ALPP	0
ALPPL2	0
ALPI	0
NEU2	0
UGT1A1,UGT1A10,UGT1A3,UGT	0
TRPM8	0
SPP2	0
CXCR7	0
MLPH	0
PRLH	0
TWIST2	0
MIR4269	0
LOC150935	0
MIR149	0
GAL3ST2	0
CXXC11	0
FAM150B	0
LOC339822	0
MYT1L	0
LOC100505964	0
LOC727982	0
LINC00487	0
LOC339788	0
LINC00299	0
MIR4261	0
FLJ33534	0
MIR4429	0

NTSR2	0
MIR4262	0
LOC100506474	0
MYCNOS	0
RAD51AP2	0
OSR1	0
APOB	0
POMC	0
MIR1301	0
C2orf53	0
SLC30A3	0
C2orf71	0
ALK	0
CAPN13	0
GALNT14	0
CAPN14	0
SRD5A2	0
SULT6B1	0
LOC375196	0
SLC8A1	0
KCNG3	0
HAAO	0
LOC728819	0
MIR548AD	0
SIX2	0
C2orf61	0
KCNK12	0
LHCGR	0
FSHR	0
NRXN1	0
MIR3682	0
EFEMP1	0
MIR217	0
MIR216A	0
MIR216B	0
MIR4432	0
LOC339803	0
SNORA70B	0
LINC00309	0
MIR4778	0
MEIS1-AS3	0
LOC644838	0
CNRIP1	0
BMP10	0
GKN2	0
FIGLA	0
CLEC4F	0
EGR4	0
NAT8	0
NAT8B	0
EVA1A	0
LRRTM4	0
SNAR-H	0
REG1B	0
REG1P	0
MIR4264	0
LRRTM1	0
MIR4779	0
CD8B	0
MIR4780	0
TRIM43B	0
FAM178B	0
CHST10	0
CREG2	0
RFX8	0
LOC100287010	0
LOC284998	0
LOC100506421	0
LOC285000	0
MIR4265	0
MIR4266	0
MIR4267	0
MIR4436B1	0
LIMS3	0
RGPD5, RGPD6	0
MIR4435-1	0
IL1B	0
IL36B	0
MIR4782	0

LOC100499194	0
LOC389023	0
EN1	0
SCTR	0
LOC84931	0
CYP27C1	0
MIR4783	0
LOC389033	0
LOC100131320	0
LOC440905	0
POTEF	0
LOC646743,TISP43	0
CFC1,CFC1B	0
MIR4784	0
C2orf27B	0
MIR663B	0
NCKAP5	0
MAP3K19	0
CXCR4	0
NXPH2	0
LRP1B	0
ZEB2	0
RPRM	0
ERMN	0
CYTIP	0
PLA2R1	0
ITGB6	0
MIR4785	0
DPP4	0
GCG	0
FAP	0
KCNH7	0
FIGN	0
GRB14	0
SNORA70F	0
SLC38A11	0
SCN1A	0
SCN9A	0
SCN7A	0
ABCB11	0
LRP2	0
WIPF1	0
CHRNA1	0
MIR933	0
EVX2	0
MIR1246	0
MIR3128	0
MIR1258	0
MIR4437	0
PDE1A	0
ZSWIM2	0
DIRC1	0
MIR1245B	0
MIR3129	0
SLC40A1	0
SDPR	0
TMEFF2	0
BOLL	0
DYTN	0
MIR2355	0
CRYGD	0
CRYGC	0
CRYGB	0
CRYGA	0
C2orf80	0
ACADL	0
MYL1	0
MIR548F2	0
MIR4776-2	0
LINC00607	0
IGFBP5	0
TNP1	0
CXCR2P1	0
PRKAG3	0
CRYBA2	0
MIR375	0
MIR3131	0
MIR153-1	0
RESP18	0

MIR3132	0
MIR4268	0
PAX3	0
DOCK10	0
MIR4439	0
MIR5702	0
C2orf83	0
SPHKAP	0
PID1	0
DNER	0
SNORD20	0
SNORD82	0
MIR1471	0
NPPC	0
ECEL1P2	0
ECEL1	0
DNAJB3	0
LOC100286922	0
GBX2	0
ASB18	0
IQCA1	0
LOC151174	0
FLJ43879	0
MIR4441	0
MIR2467	0
MIR4786	0
OR6B2	0
PRR21	0
OR6B3	0
AQP12B	0
KIF1A	0
LOC200772	0
DEFB125	0
DEFB126	0
DEFB127	0
DEFB129	0
DEFB132	0
TGM3	0
TGM6	0
SNORA51	0
SNORD56	0
SNORD57	0
C20orf141	0
TMEM239	0
MIR103A2	0
PRND	0
PLCB1	0
LAMP5	0
ANKEF1	0
SPTLC3	0
BANF2	0
LINC00851	0
MIR3192	0
SCP2D1	0
PAX1	0
LOC100270679	0
SSTR4	0
CSTL1	0
CST8	0
CST13P	0
FLJ33581	0
SYNDIG1	0
DEFB115	0
DEFB118	0
DEFB123	0
REM1	0
LINC00028	0
MIR3193	0
COX4I2	0
TTLL9	0
XKR7	0
LOC149950	0
BPIFB2	0
BPIFB6	0
BPIFB3	0
BPIFB4	0
BPIFA2	0
BPIFA4P	0
BPIFA3	0

BPIFA1	0
BPIFB1	0
MIR4755	0
MIR644A	0
MIR499A	0
BPI	0
SNORA60	0
ADIG	0
PPP1R16B	0
R3HDML	0
MIR3646	0
SEMG1	0
SEMG2	0
SPINT4	0
MMP9	0
EYA2	0
MIR3616	0
SNORD12C	0
SNORD12B	0
SNORD12	0
MIR645	0
TSHZ2	0
DOK5	0
MC3R	0
SPO11	0
MIR5095	0
PCK1	0
MIR4532	0
C20orf85	0
ZNF831	0
EDN3	0
PHACTR3	0
C20orf197	0
MIR4533	0
C20orf166	0
MIR1-1	0
HAR1A	0
MIR124-3	0
MIR3196	0
FLJ16779	0
MIR4326	0
MIR941-1,MIR941-3,MIR941-4	0
MIR941-2,MIR941-3,MIR941-4	0
DEFB128	0
TCF15	0
SCRT2	0
SIRPB2	0
SIRPD	0
SIRPB1	0
SIRPG	0
LOC100289473	0
PDYN	0
SNORD119	0
CPXM1	0
AVP	0
C20orf194	0
ADAM33	0
MIR103B2	0
ADRA1D	0
PRNT	0
PROKR2	0
HAO1	0
PAK7	0
SNAP25-AS1	0
LOC339593	0
ISM1-AS1	0
SEL1L2	0
FLRT3	0
MACROD2-AS1	0
C20orf78	0
LOC100130264	0
NKX2-4	0
NKX2-2	0
LOC284788	0
LINC00261	0
FOXA2	0
THBD	0
LINC00656	0
CST11	0

CST9L	0
CST9	0
CST4	0
CST1	0
CST2	0
CST5	0
VSX1	0
LOC284798	0
DEFB116	0
DEFB119	0
DEFB121	0
DEFB122	0
DEFB124	0
SUN5	0
GGT7	0
MIR499B	0
C20orf173	0
LINC00489	0
LOC339568	0
PTPRT	0
WFDC12	0
SLPI	0
SPINT3	0
EPPIN,EPPIN-WFDC6,WFDC6	0
WFDC8	0
WFDC9	0
WFDC11	0
CDH22	0
ZNF663	0
MKRN7P	0
ZNF334	0
OCSTAMP	0
KCNB1	0
LINC00651	0
KCNG1	0
MIR3194	0
SALL4	0
SUMO1P1	0
MIR4756	0
CYP24A1	0
CBLN4	0
MIR4325	0
CTCFL	0
ZBP1	0
APCDD1L	0
MIR296	0
MIR298	0
GNAS-AS1	0
LOC100506384	0
MIR1257	0
HRH3	0
RBBP8NL	0
GATA5	0
C20orf166-AS1	0
BHLHE23	0
HAR1B	0
NKAIN4	0
CHRNA4	0
MIR1914	0
MIR647	0
SOX18	0
C20orf201	0
NPBWR2	0
MIR3687	0
POTED	0
RBM11	0
SAMSN1-AS1	0
LINC00478	0
MIR99A	0
MIRLET7C	0
MIR125B2	0
C21orf37	0
NCAM2	0
RNU6-67	0
LINC00308	0
LOC339622	0
MIR4759	0
LINC00113	0
LINC00314	0

KRTAP13-1	0
KRTAP13-4	0
KRTAP15-1	0
KRTAP6-3	0
KRTAP22-1	0
KRTAP20-1	0
KRTAP20-4	0
KRTAP20-2	0
KRTAP20-3	0
OLIG2	0
OLIG1	0
CLIC6	0
MIR802	0
DSCR10	0
BRWD1-AS1	0
PCP4	0
DSCAM-AS1	0
MIR3197	0
LINC00111	0
LINC00112	0
UMODL1	0
UBASH3A	0
PDE9A	0
CRYAA	0
AIRE	0
TRPM2	0
KRTAP10-4	0
KRTAP10-7	0
KRTAP10-8	0
KRTAP10-9	0
KRTAP10-10	0
KRTAP10-11	0
KRTAP12-3	0
KRTAP10-12	0
TPTE	0
BAGE,BAGE3,BAGE4,BAGE5	0
MIR3156-3	0
ANKRD20A11P	0
LIPI	0
SAMSN1	0
LOC388813	0
CHODL-AS1	0
TMPRSS15	0
LINC00320	0
LINC00317	0
D21S2088E	0
CYYR1	0
ADAMTS1	0
MIR5009	0
CLDN17	0
LINC00307	0
CLDN8	0
KRTAP24-1	0
KRTAP25-1	0
KRTAP26-1	0
KRTAP27-1	0
KRTAP23-1	0
KRTAP13-2	0
MIR4327	0
KRTAP13-3	0
KRTAP19-1	0
KRTAP19-2	0
KRTAP19-3	0
KRTAP19-4	0
KRTAP19-5	0
KRTAP19-6	0
KRTAP19-7	0
KRTAP22-2	0
KRTAP6-2	0
KRTAP6-1	0
KRTAP21-3	0
KRTAP21-2	0
KRTAP21-1	0
KRTAP8-1	0
KRTAP7-1	0
KRTAP11-1	0
KRTAP19-8	0
LINC00159	0
C21orf54	0

LINC00160	0
LOC100506403	0
KCNJ6	0
DSCR4	0
ERG	0
LINC00114	0
C21orf88	0
DSCAM	0
MIR4760	0
DSCAM-IT1	0
LINC00323	0
TMPRSS2	0
C21orf128	0
TFF3	0
TFF2	0
TFF1	0
TMPRSS3	0
KRTAP10-3	0
KRTAP10-5	0
KRTAP10-6	0
KRTAP12-4	0
KRTAP12-2	0
KRTAP12-1	0
LOC100129027	0
S100B	0
TPTEP1	0
HSFY1P1	0
FLJ41941	0
MIR185	0
POM121L4P	0
MIR301B	0
MIR130B	0
VPREB1	0
MIR650	0
IGLL5	0
C22orf15	0
TOP1P2	0
IGLL3P	0
SEZ6L	0
MIR3199-2	0
HORMAD2	0
MIR3200	0
AP1B1P1	0
TIMP3	0
ISX	0
MIR3909	0
APOE5	0
LOC100506241	0
MIR4534	0
SYNGR1	0
MCHR1	0
MIR1281	0
MIR33A	0
MPPED1	0
EFCAB6-AS1	0
LINC00207	0
UPK3A	0
FBLN1	0
MIR4762	0
MIR3619	0
MIR3201	0
FAM19A5	0
MIR4535	0
LOC100128946	0
PANX2	0
MIOX	0
POTEH	0
OR11H1	0
CCT8L2	0
GAB4	0
CECR3	0
MIR3198-1	0
GSC2	0
LOC150185	0
LOC388849	0
MIR1286	0
SLC7A4	0
P2RX6P	0
ZNF280B	0

IGLL1	0
GGT5	0
PIWIL3	0
MIR548J	0
CRYBB1	0
MIR3199-1	0
C22orf31	0
MIR3653	0
SEC14L6	0
MIR3928	0
C22orf42	0
BPIFC	0
MIR4764	0
MB	0
APOL3	0
CACNG2	0
PVALB	0
TEX33	0
IL2RB	0
SSTR3	0
ELFN2	0
LGALS2	0
MIR659	0
SNORD83A	0
RNU86	0
SNORD43	0
ENTHD1	0
MIR4766	0
SULT4A1	0
PNPLA5	0
LINC00229	0
PHF21B	0
MIR1249	0
FLJ46257	0
LOC284933	0
CHL1	0
CNTN6	0
LRRN1	0
GRM7	0
CAV3	0
SLC6A11	0
SYN2	0
PPARG	0
FGD5P1	0
MIR563	0
LOC339862	0
VENTXP7	0
UBE2E2	0
MIR548AC	0
THRBS-AS1	0
LRRC3B	0
LINC00693	0
RBMS3	0
OSBPL10-AS1	0
TRIM71	0
CCR4	0
ARPP21	0
MIR128-2	0
STAC	0
MIR26A1	0
CCR8	0
ENTPD3	0
KLHL40	0
CCDC13-AS1	0
KRBOX1	0
MIR138-1	0
TOPAZ1	0
CCR3	0
CCR2	0
RTP3	0
LRRC2-AS1	0
TDGF1	0
LOC100132146	0
MIR1226	0
MIR4443	0
CAMP	0
MIR4271	0
MIR4787	0
IQCF4	0

IQCF3	0
IQCF2	0
SNORD19	0
SNORD19B	0
SNORD69	0
CACNA2D3	0
ARHGEF3-AS1	0
LINC00698	0
SYNPR	0
SNTN	0
PRICKLE2-AS1	0
PRICKLE2-AS2	0
ADAMTS9-AS2	0
MIR548A2	0
MAG11-AS1	0
MIR4272	0
FAM19A1	0
GPR27	0
LOC201617	0
MIR4444-1	0
MIR1324	0
MIR4273	0
ROBO2	0
CADM2	0
MIR5688	0
HTR1F	0
LOC255025	0
EPHA6	0
OR5AC2	0
OR5H1	0
OR5H14	0
OR5H15	0
OR5H6	0
OR5H2	0
OR5K4	0
OR5K3	0
OR5K1	0
GPR15	0
COL8A1	0
GPR128	0
TRAT1	0
FLJ22763	0
LINC00488	0
FLJ25363	0
MIR567	0
WDR52-AS1	0
MIR4446	0
TIGIT	0
ZBTB20-AS1	0
GAP43	0
LSAMP-AS3	0
IGSF11-AS1	0
C3orf30	0
PLA1A	0
MAATS1	0
CD86	0
CASR	0
MIR5002	0
ROPN1B	0
ALDH1L1-AS1	0
ALDH1L1-AS2	0
NUP210P1	0
DNAJB8-AS1	0
LOC90246	0
EFCC1	0
GP9	0
RHO	0
H1FOO	0
COL6A5	0
ACPP	0
NPHP3-AS1	0
TMEM108	0
BFSP2	0
MIR4788	0
EPHB1	0
SOX14	0
BPESC1	0
CLSTN2	0
TRIM42	0

SPSB4	0
LOC100507389	0
CHST2	0
SLC9A9-AS1	0
ZIC1	0
AGTR1	0
CPB1	0
CPA3	0
HLTF-AS1	0
TM4SF4	0
CLRN1-AS1	0
MED12L	0
MIR548H2	0
AADACL2	0
LOC201651	0
AADAC	0
SUCNR1	0
MME	0
LOC100498859	0
PTX3	0
C3orf55	0
MLF1	0
MIR3919	0
MIR15B	0
MIR16-2	0
OTOL1	0
LOC646168	0
MIR551B	0
SAMD7	0
NLGN1	0
NAALADL2	0
MIR4789	0
ABCC5-AS1	0
HTR3D	0
HTR3C	0
HTR3E	0
MIR1224	0
SNORD66	0
EHHADH-AS1	0
LOC344887	0
HRG	0
KNG1	0
SNORD2	0
RTP1	0
RTP4	0
LOC100131635	0
TP63	0
MIR944	0
SNAR-1	0
OSTN	0
PYDC2	0
MIR570	0
LOC401109	0
FAM157A	0
CNTN4-AS2	0
IL5RA	0
MIR4790	0
CIDEC	0
MIR885	0
LINC00606	0
SLC6A1-AS1	0
TIMP4	0
WNT7A	0
MIR4270	0
MIR4791	0
ZNF385D	0
LINC00691	0
MIR4792	0
MIR4442	0
LINC00692	0
EOMES	0
GADL1	0
DCLK3	0
SCN5A	0
SCN10A	0
CCK	0
LYZL4	0
HHATL	0
CYP8B1	0

CCR1	0
LTF	0
PRSS46	0
PRSS45	0
PRSS42	0
MYL3	0
MIR425	0
MIR191	0
LOC646498	0
BSN-AS2	0
CDHR4	0
CAMKV	0
IQCF6	0
IQCF5	0
MIRLET7G	0
MIR135A1	0
CACNA2D3-AS1	0
LRTM1	0
WNT5A	0
ERC2-IT1	0
MIR3938	0
FAM3D	0
C3orf67	0
FEZF2	0
SYNPR-AS1	0
LOC100287879	0
PRICKLE2	0
FAM19A4	0
MIR3136	0
MIR1284	0
PROK2	0
PDZRN3	0
CNTN3	0
LOC440970	0
CADM2-AS2	0
RNU6-69	0
VGLL3	0
MIR4795	0
POU1F1	0
GABRR3	0
ST3GAL6-AS1	0
MIR548G	0
MIR3921	0
MIR548A3	0
LINC00635	0
RETNLB	0
GUCA1C	0
MORC1	0
DPPA2	0
DPPA4	0
ZBED2	0
CD200R1L	0
DRD3	0
MIR568	0
MIR4796	0
CD80	0
ILDR1	0
SEMA5B	0
ROPN1	0
MIR5092	0
MIR548I1	0
C3orf22	0
C3orf27	0
KIAA1257	0
MIR5704	0
C3orf36	0
SLCO2A1	0
FOXL2	0
PRR23B	0
PISRT1	0
RBP2	0
RBP1	0
PCOLCE2	0
PAQR9	0
PLOD2	0
PLSCR5	0
ZIC4	0
TM4SF18	0
ANKUB1	0

GPR171	0
P2RY14	0
P2RY13	0
P2RY12	0
IGSF10	0
MIR5186	0
GPR149	0
KCNAB1-AS2	0
KCNAB1-AS1	0
SPTSSB	0
CT64	0
SI	0
SLITRK3	0
BCHE	0
ZBBX	0
LRRC31	0
SLC2A2	0
MIR569	0
GHSR	0
TNFSF10	0
NAALADL2-AS3	0
FLJ46066	0
LOC253573	0
ADIPOQ-AS1	0
RPL39L	0
MASP1	0
SST	0
RTP2	0
CLDN1	0
TMEM207	0
GMNC	0
FGF12	0
LOC647323	0
DPPA2P3	0
CPN2	0
MIR5692C1	0
APOD	0
MIR4797	0
ZNF141	0
FLJ35424	0
STK32B	0
LOC285484	0
MIR4798	0
MIR4274	0
HTRA3	0
GPR78	0
LOC650293	0
USP17L10	0
USP17L18	0
USP17L21	0
USP17L13	0
USP17L15	0
USP17L17	0
USP17L18	0
USP17L19	0
USP17L22	0
USP17L12	0
USP17L22	0
USP17L28	0
USP17L26	0
USP17L24	0
USP17L28	0
USP17L25	0
USP17L30	0
USP17L27	0
USP17L9P	0
USP17L27	0
USP17L6P	0
DRD5	0
MIR572	0
MIR5091	0
LOC152742	0
C1QTNF7	0
CD38	0
CLRN2	0
SLIT2	0
SLIT2-IT1	0
MIR218-1	0
GBA3	0

SOD3	0
SLC34A2	0
MIR4275	0
DTHD1	0
KIAA1239	0
MIR574	0
CHRNA9	0
UCHL1	0
SHISA3	0
GRXCR1	0
GABRB1	0
ZAR1	0
CWH43	0
SPATA18	0
MIR4449	0
LOC152578	0
LNX1-AS1	0
LNX1-AS2	0
GSX2	0
PDGFRA	0
KIT	0
LOC644145	0
THEGL	0
LOC255130	0
LPHN3	0
LOC100144602	0
LOC550113	0
FTLP10	0
TMPRSS11E	0
UGT2B10	0
UGT2B7	0
UGT2B28	0
CSN1S1	0
STATH	0
HTN3	0
HTN1	0
CSN1S2AP	0
CSN1S2BP	0
ODAM	0
FDCSP	0
CSN3	0
CABS1	0
SMR3A	0
SMR3B	0
PROL1	0
MUC7	0
AMTN	0
AMBN	0
SLC4A4	0
AFP	0
AFM	0
LOC728040	0
CXCL6	0
PF4V1	0
AREG	0
AREG	0
LOC441025	0
ART3	0
MIR4450	0
GDEP	0
MIR4451	0
DSPP	0
DMP1	0
IBSP	0
MEPE	0
LOC644248	0
MMRN1	0
CCSER1	0
GRID2	0
ATOH1	0
BMPR1B	0
PDHA2	0
MIR3684	0
C4orf17	0
BANK1	0
ARHGEF38-JT1	0
NPNT	0
MIR1243	0
MIR577	0

MIR1973	0
NDST3	0
CEP170P1	0
PP12613	0
LOC285419	0
FAT4	0
MIR2054	0
PCDH10	0
LINC00499	0
SCOC	0
GUSBP5	0
EDNRA	0
MIR4799	0
TLR2	0
FGB	0
RBM46	0
NPY2R	0
GUCY1A3	0
GUCY1B3	0
TDO2	0
GLRB	0
GRIA2	0
LOC340017	0
RXFP1	0
MIR3688-2	0
NPY5R	0
MIR5684	0
LOC100506013	0
FAM218A	0
CPE	0
MIR578	0
TLL1	0
ANXA10	0
LOC100506122	0
GALNTL6	0
NBLA00301	0
MIR4276	0
ADAM29	0
WDR17	0
LOC285501	0
MIR1305	0
HELT	0
F11	0
LOC401164	0
DUX2	0
DUX4L4	0
DUX4L5	0
DUX4L6	0
DUX4L4	0
DUX4	0
DUX4L3	0
DUX4	0
RNF212	0
TMED11P	0
HTT-AS1	0
LOC100133461	0
CYTL1	0
EVC2	0
MIR378D1	0
JAKMIP1	0
PSAPL1	0
HMX1	0
MIR3138	0
CLNK	0
HS3ST1	0
LOC285547	0
NKX3-2	0
LOC285548	0
LOC441009	0
FGFBP1	0
FGFBP2	0
LDB2	0
MIR548AX	0
KCNIP4-IT1	0
MIR548AJ2	0
MIR573	0
CCKAR	0
MIR4801	0
MIR4802	0

PHOX2B	0
KCTD8	0
GABRA2	0
GABRA4	0
ERVMER34-1	0
KDR	0
HOPX	0
SPINK2	0
TECRL	0
LOC401134	0
EPHA5	0
TMPRSS11A	0
TMPRSS11GP	0
TMPRSS11F	0
SYT14L	0
TMPRSS11BNL	0
TMPRSS11B	0
UGT2B17	0
UGT2B15	0
UGT2A3	0
UGT2B10	0
UGT2B11	0
UGT2B4	0
SULT1B1	0
SULT1E1	0
CSN2	0
GC	0
ADAMTS3	0
RASSF6	0
PF4	0
PPBP	0
CXCL5	0
PPBPP2	0
CXCL9	0
CXCL10	0
CXCL11	0
NAA11	0
GK2	0
PRKG2	0
LINC00575	0
MIR575	0
NKX6-1	0
MAPK10	0
MIR5705	0
GPRIN3	0
SNCA	0
HPGDS	0
UNC5C	0
ADH4	0
ADH1A	0
ADH1B	0
ADH1C	0
ADH7	0
DDIT4L	0
EMCN	0
EMCN-IT3	0
TACR3	0
GIMD1	0
DKK2	0
AGXT2L1	0
CFI	0
MIR367	0
MIR302D	0
MIR302A	0
MIR302C	0
MIR302B	0
NDST4	0
TRAM1L1	0
TNIP3	0
QRFPR	0
TMEM155	0
TRPC3	0
IL2	0
IL21	0
PABPC4L	0
LINC00616	0
LOC100129858	0
CLGN	0
UCP1	0

TBC1D9	0
TNRC18P1	0
RNF150	0
INPP4B	0
FREM3	0
GYPE	0
GYPB	0
GYP A	0
LOC100505545	0
TTC29	0
MIR3140	0
TMEM154	0
RNF175	0
SFRP2	0
DCHS2	0
FGA	0
FGG	0
MAP9	0
ASIC5	0
PDGFC	0
C4orf45	0
MIR3688-1	0
NPY1R	0
TKTL2	0
ANP32C	0
SCRG1	0
HAND2	0
GLRA3	0
ASB5	0
VEGFC	0
LINC00290	0
MIR3945	0
LOC100506229	0
PDLIM3	0
SORBS2	0
LOC285441	0
MTNR1A	0
LOC339975	0
SLC6A19	0
SLC6A18	0
IRX1	0
LOC340094	0
UBE2OL1	0
LOC255167	0
ADCY2	0
LOC100505806	0
SNORD123	0
CT49	0
FBXL7	0
BASP1	0
PMCHL1	0
PRDM9	0
LSP1P3	0
LOC340113	0
RXFP3	0
IL7R	0
SLC1A3	0
EGFLAM	0
CCDC152	0
NNT	0
HSPB3	0
SNX18	0
GZMK	0
GZMA	0
GAPT	0
RAB3C	0
RNF180	0
RGS7BP	0
FAM159B	0
SERF1A	0
CARTPT	0
MIR4803	0
MIR4804	0
TMEM171	0
TMEM174	0
SV2C	0
F2RL1	0
S100Z	0
CRHBP	0

BHMT	0
SPZ1	0
RNU5E-1	0
MIR3977	0
VCAN	0
NBPF22P	0
MIR3607	0
MIR548AO	0
GPR150	0
MIR583	0
RAB9BP1	0
LOC100289673	0
CAMK4	0
NREP-AS1	0
FLJ11235	0
KCNN2	0
ARL14EPL	0
MIR1244-2	0
PRR16	0
FTMT	0
MEGF10	0
CTXN3	0
SLC27A6	0
MIR4633	0
ADAMTS19	0
KIAA1024L	0
CHSY3	0
IL3	0
PDLIM4	0
IL4	0
SOWAHA	0
FBXL21	0
NPY6R	0
MYOT	0
PKD2L2	0
WNT8A	0
VTRNA1-1	0
VTRNA1-2	0
PCDHB1	0
PCDHB17	0
MIR5197	0
HMH1	0
POU4F3	0
STK32A	0
JAKMIP2-AS1	0
SCGB3A2	0
SPINK5	0
SPINK14	0
SPINK6	0
SPINK13	0
SPINK7	0
SPINK9	0
ADRB2	0
CDX1	0
KIF4B	0
ITK	0
NIPAL4	0
C5orf52	0
ADRA1B	0
MIR3142	0
MIR146A	0
GABRA6	0
GABRA1	0
GABRG2	0
MIR103B1	0
DOCK2	0
MIR378E	0
FOX11	0
C5orf58	0
KCNIP1	0
GABRP	0
TLX3	0
C5orf47	0
MIR4634	0
CPLX2	0
FAM153B	0
LOC100507387	0
EIF4E1B	0
SLC34A1	0

ZNF879	0
ZNF354C	0
LINC00847	0
BTNL8	0
BTNL3	0
OR2V2	0
OR4F3	0
MIR4456	0
LOC100506688	0
MIR4635	0
MIR4457	0
MIR4277	0
LOC285577	0
MIR4278	0
MIR4454	0
C5orf49	0
MIR4636	0
TAS2R1	0
LOC285692	0
CTNND2	0
MIR4637	0
MARCH11	0
LOC285696	0
LOC401177	0
CDH18	0
CDH10	0
LOC340107	0
CDH9	0
MIR4279	0
ADAMTS12	0
SLC45A2	0
PRLR	0
CAPSL	0
UGT3A2	0
MIR580	0
GDNF	0
EGFLAM-AS4	0
LIFR	0
MIR3650	0
FYB	0
C9	0
SNORD72	0
MROH2B	0
C6	0
CCL28	0
FGF10	0
HCN1	0
MIR581	0
ESM1	0
MIR449A	0
MIR449B	0
MIR449C	0
MIR5687	0
ANKRD55	0
ACTBL2	0
HTR1A	0
CD180	0
ZNF366	0
F2RL2	0
LOC644936	0
ANKRD34B	0
HAPLN1	0
EDIL3	0
MIR4280	0
MIR3660	0
LIX1	0
SLCO4C1	0
SLCO6A1	0
TSSK1B	0
ZNF608	0
FBN2	0
MIR4460	0
MIR3936	0
IL5	0
MIR1289-2	0
LOC340073	0
C5orf20	0
TIFAB	0
NEUROG1	0

CXCL14	0
IL9	0
LECT2	0
TRPC7	0
SPOCK1	0
MIR874	0
NME5	0
SNORD63	0
LOC729080	0
ARHGAP26-AS1	0
GRXCR2	0
GPR151	0
PPP2R2B	0
PPP2R2B-IT1	0
DPYSL3	0
JAKMIP2	0
C5orf46	0
HTR4	0
CAMK2A	0
ZNF300P1	0
SLC36A3	0
SPARC	0
GLRA1	0
NMUR2	0
HAND1	0
MIR3141	0
TIMD4	0
HAVCR1	0
FAM71B	0
ADAM19	0
SOX30	0
IL12B	0
LOC285627	0
ATP10B	0
LOC285629	0
GABRB2	0
MIR103A1	0
SLIT3	0
MIR218-2	0
MIR585	0
FAM196B	0
LCP2	0
KCNMB1	0
MIR3912	0
STC2	0
FLJ16171	0
DRD1	0
SNCB	0
MIR4281	0
FAM153A	0
PROP1	0
MIR1229	0
MIR340	0
RASGEF1C	0
SCGB3A1	0
OR2Y1	0
OR2V1	0
MIR4638	0
SNORD96A	0
FOXQ1	0
FOXF2	0
FAM50B	0
PPP1R3G	0
LY86	0
MIR5689	0
TMEM170B	0
RNF182	0
MIR4639	0
STMND1	0
RBM24	0
MIR548A1	0
ID4	0
LINC00340	0
HDGFL1	0
SCGN	0
HIST1H2BA	0
HIST1H2APS1	0
SLC17A4	0
HIST1H3C	0

HIST1H4F	0
BTN1A1	0
MIR3143	0
VN1R10P	0
HIST1H2AL	0
GPX5	0
LOC100129636	0
OR2J3	0
OR2J2	0
OR14J1	0
OR12D2	0
OR10C1	0
LOC100507362	0
SNORD32B	0
MOG	0
MIR877	0
MIR4640	0
MUC21	0
MUC22	0
HCG22	0
HCG26	0
AIF1	0
LY6G6F	0
LY6G6D	0
SNORD48	0
SNORD52	0
STK19	0
HCG23	0
HLA-DRA	0
HLA-DQA1	0
HLA-DQA2	0
HLA-DPB1	0
HLA-DPB2	0
MIR219-1	0
CLPSL2	0
CLPSL1	0
PI16	0
FGD2	0
DNAH8	0
GLP1R	0
DAAM2	0
TDRG1	0
TREML4	0
TREML5P	0
NCR2	0
MIR4641	0
ATP6V0CP3	0
PTCRA	0
TTBK1	0
SLC22A7	0
CAPN11	0
MIR4642	0
ANKRD66	0
MEP1A	0
GPR111	0
OPN5	0
GLYATL3	0
TFAP2D	0
TFAP2B	0
MIR206	0
MIR133B	0
IL17A	0
MIR5685	0
MLIP-IT1	0
MLIP	0
TINAG	0
HCRTR2	0
GFRAL	0
BEND6	0
SLC25A51P1	0
BAI3	0
COL19A1	0
FAM135A	0
KHDC3L	0
RNY4	0
PRSS35	0
RIPPLY2	0
HTR1E	0
SPACA1	0

GJA10	0
MIR4464	0
MIR4643	0
TSG1	0
FUT9	0
FHL5	0
MIR2113	0
POU3F2	0
PRDM13	0
LOC728012	0
GRIK2	0
LIN28B	0
BVES-AS1	0
NR2E1	0
CCDC162P	0
GPR6	0
RFPL4B	0
FLJ34503	0
FAM26D	0
RFX6	0
VGLL2	0
LOC100287632	0
CLVS2	0
HEY2	0
RSPO3	0
TMEM200A	0
LOC100507254	0
TAAR9	0
TAAR8	0
TAAR6	0
SNORD101	0
SNORD100	0
LINC00326	0
EYA4	0
MGC34034	0
TCF21	0
LOC154092	0
LINC00271	0
LOC100132735	0
MIR3668	0
MIR4465	0
ZC2HC1B	0
GRM1	0
RAB32	0
ADGB	0
PPP1R14C	0
IYD	0
ESR1	0
OPRM1	0
MIR3692	0
SYNJ2-IT1	0
FNDC1	0
MAS1	0
LINC00602	0
TCP10L2	0
UNC93A	0
TTLL2	0
KIF25	0
MIR4644	0
LOC285768	0
MIR4645	0
PXDC1	0
MIR3691	0
F13A1	0
LY86-AS1	0
SCARNA27	0
ELOVL2	0
NHLRC1	0
LOC729177	0
PRL	0
CMAHP	0
HIST1H2AA	0
SLC17A1	0
SLC17A3	0
SLC17A2	0
HIST1H1A	0
HIST1H2BB	0
HIST1H1T	0
HIST1H4G	0

POM121L2	0
HIST1H4L	0
OR2B2	0
ZSCAN23	0
GPX6	0
ZNF311	0
OR2W1	0
OR2B3	0
OR5V1	0
OR12D3	0
OR11A1	0
MAS1L	0
UBD	0
ZFP57	0
HCG4	0
TRIM10	0
SFTA2	0
C6orf15	0
SNORD84	0
LTB	0
MIR4646	0
LY6G6E	0
MIR1236	0
TNXB	0
C6orf10	0
BTNL2	0
HLA-DQB1	0
HLA-DQB2	0
HLA-DOA	0
IP6K3	0
MLN	0
LOC100507584	0
MIR1275	0
GRM4	0
MIR5690	0
C6orf222	0
ETV7	0
MIR3925	0
MIR4462	0
MDGA1	0
LOC100131047	0
KCNK17	0
KCNK16	0
KIF6	0
MOCS1	0
FLJ41649	0
LRFN2	0
TREML1	0
TREML2	0
TREML3P	0
PGC	0
CRIP3	0
MIR586	0
PLA2G7	0
GPR116	0
RHAG	0
CRISP2	0
CRISP3	0
PGK2	0
CRISP1	0
DEFB133	0
DEFB114	0
DEFB113	0
DEFB110	0
DEFB112	0
PKHD1	0
GSTA7P	0
GSTA2	0
GSTA1	0
GSTA5	0
GSTA3	0
RPS16P5	0
HMGCLL1	0
BMP5	0
COL21A1	0
RNU6-71	0
KHDRBS2	0
COL9A1	0
MIR30C2	0

MIR30A	0
MIR4282	0
KCNQ5-AS1	0
KHDC1L	0
KHDC1	0
DPPA5	0
HTR1B	0
C6orf7	0
ELOVL4	0
ME1	0
SNAP91	0
TBX18	0
SNORD50B	0
CGA	0
CNR1	0
GABRR1	0
RRAGD	0
EPHA7	0
MIR548H3	0
MCHR2	0
SIM1	0
LINC00577	0
POPDC3	0
LOC100422737	0
SCML4	0
SLC22A16	0
LOC285758	0
HS3ST5	0
BET3L	0
FAM162B	0
GPRC6A	0
ROS1	0
FAM184A	0
MIR548B	0
LOC285762	0
TRDN	0
MIR5695	0
THEMIS	0
TMEM244	0
SAMD3	0
TAAR5	0
TAAR3	0
TAAR2	0
TAAR1	0
VNN1	0
VNN3	0
VNN2	0
HMG1P7	0
MIR3662	0
IL22RA2	0
OLIG3	0
LOC100130476	0
MIR3145	0
TXLNB	0
LOC645434	0
LOC153910	0
LOC100128176	0
NOX3	0
MIR4466	0
MIR3918	0
TAGAP	0
SNORA29	0
SLC22A2	0
PACRG-AS1	0
DKFZp451B082	0
CAHM	0
C6orf118	0
PDE10A	0
LINC00473	0
T	0
RPS6KA2-IT1	0
MIR1913	0
MIR3939	0
GPR31	0
TCP10	0
HGC6.3	0
FRMD1	0
DACT2	0
LOC154449	0

FAM20C	0
LOC100288524	0
LOC442497	0
UNCX	0
SDK1	0
NXPB1	0
PER4	0
LOC100506025	0
LRRC72	0
MACC1-AS1	0
IL6	0
SNORD93	0
NPY	0
C7orf71	0
EVX1	0
WIPF3	0
MIR550A1	0
GHRHR	0
CCDC129	0
PPP1R17	0
BMPER	0
NPSR1	0
LOC401324	0
GPR141	0
NME8	0
EPDR1	0
POU6F2	0
INHBA-AS1	0
MIR3943	0
MIR4649	0
RAMP3	0
IGFBP1	0
C7orf65	0
C7orf69	0
VWC2	0
C7orf72	0
IKZF1	0
LOC100129427	0
POM121L12	0
VSTM2A	0
LOC285878	0
DKFZp434L192	0
MIR3147	0
ZNF716	0
LOC100287704	0
MIR4283-2	0
ZNF727	0
ZNF735	0
ZNF679	0
ZNF736	0
LOC641746	0
WBSR17	0
MIR3914-2	0
MIR4650-1	0
FZD9	0
MIR4284	0
ELN	0
GATSL1	0
SPDYE8P	0
SPDYE8P	0
MIR4651	0
SNORA14A	0
RPL13AP17	0
MAG12-AS2	0
MIR548M	0
ZNF804B	0
MIR4652	0
GNGT1	0
GNG11	0
COL1A2	0
PEG10	0
DLX6	0
TAC1	0
NPTX2	0
MIR3609	0
ZAN	0
MIR4653	0
MIR4285	0
MIR4467	0

SPDYE2L	0
LHFPL3	0
PIK3CG	0
PRKAR2B	0
MIR3666	0
MDFIC	0
ANKRD7	0
KCND2	0
PTPRZ1	0
HYALP1	0
HYAL4	0
SPAM1	0
MIR593	0
MIR129-1	0
CPA5	0
CPA1	0
MIR335	0
FLJ40288	0
AKR1B15	0
STRA8	0
CHRM2	0
MIR490	0
LOC100130880	0
AKR1D1	0
MIR4468	0
CLEC2L	0
OR9A4	0
LOC93432	0
PRSS2	0
C7orf34	0
OR6V1	0
PIP	0
TAS2R39	0
TAS2R40	0
TAS2R60	0
TAS2R41	0
OR2F2	0
OR2F1	0
OR6B1	0
OR2A5	0
OR2A25	0
OR2A12	0
OR2A2	0
OR2A14	0
OR2A20P,OR2A9P	0
RNU6-57	0
MIR548AQ	0
MIR548F3	0
MIR548T	0
C7orf33	0
KRBA1	0
RNU6-33	0
LOC285972	0
GIMAP8	0
GIMAP7	0
GIMAP4	0
TMEM176A	0
WDR86-AS1	0
GALNTL5	0
DPP6	0
HTR5A	0
LOC100506585	0
MIR5707	0
LINC00689	0
MIR339	0
MIR4655	0
CARD11	0
MIR4656	0
RADIL	0
PAPOLB	0
MIR589	0
COL28A1	0
THSD7A	0
VWDE	0
AGMO	0
MEOX2	0
AGR2	0
AGR3	0
PRPS1L1	0

TWIST1	0
FERD3L	0
MIR3146	0
TMEM196	0
CLK2P	0
NPVF	0
RNU6-16	0
MIR148A	0
TRIL	0
MIR550A3	0
NEUROD6	0
PDE1C	0
LOC100130673	0
MIR550B2	0
NPSR1-AS1	0
TBX20	0
AOAH	0
AOAH-IT1	0
ELMO1	0
MIR1200	0
SFRP4	0
TARP	0
AMPH	0
POU6F2-AS1	0
GLI3	0
MYL7	0
GCK	0
IGFBP3	0
ZPBP	0
FLJ45974	0
HPVC1	0
EGFR-AS1	0
LOC650226	0
LOC100130849	0
MIR4283-2	0
GUSBP10	0
LOC100287834	0
LOC100506050	0
MIR4650-1	0
MIR3914-1	0
CCL24	0
MIR548AU	0
GNAT3	0
ABCB4	0
ABCB1	0
STEAP4	0
C7orf62	0
MTERF	0
MIR653	0
MIR489	0
TFPI2	0
MIR591	0
C7orf76	0
DLX6-AS1	0
DLX5	0
OCM2	0
MIR93	0
MIR106B	0
LHFPL3-AS1	0
LHFPL3-AS2	0
LAMB4	0
NRCAM	0
C7orf66	0
EIF3IP1	0
PPP1R3A	0
TFEC	0
ST7-AS2	0
WNT2	0
TAS2R16	0
TMEM229A	0
GPR37	0
LOC154872	0
MIR592	0
PAX4	0
MIR182	0
MIR96	0
MIR183	0
KLF14	0
MIR29A	0

MIR29B1	0
PLXNA4	0
FAM180A	0
LOC349160	0
SVOPL	0
KLRG2	0
CLEC5A	0
TAS2R38	0
MOXD2P	0
PRSS58	0
LOC730441	0
TRPV5	0
OR9A2	0
RNU6-57	0
NOBOX	0
MIR548I4	0
MIR548F4	0
RARRES2	0
GBX1	0
ASB10	0
WDR86	0
MIR3907	0
LOC100128264	0
SHH	0
MIR153-2	0
MIR595	0
ERICH1-AS1	0
DLGAP2	0
MIR596	0
MIR4659A	0
LOC100652791	0
DEFB109P1B	0
USP17L1P	0
USP17L4	0
DEFB105B	0
DEFB107A	0
FAM90A10P	0
DEFB106B	0
DEFB104B	0
SPAG11A,SPAG11B	0
DEFB103A,DEFB103B	0
DEFB4A	0
ZNF705B	0
FAM66E	0
MIR4660	0
MIR597	0
C8orf74	0
BLK	0
LINC00208	0
ZNF705D	0
FAM66D	0
FAM66A	0
MIR3926-2	0
TUSC3	0
EFHA2	0
LPL	0
LZTS1-AS1	0
LOC286114	0
ADAM28	0
ADAMDEC1	0
ADAM7	0
NEFM	0
MIR3622A	0
PNOC	0
LOC286135	0
NRG1	0
NRG1-IT3	0
UNC5D	0
KCNU1	0
ADAM5	0
LOC100130964	0
ADAM18	0
IDO2	0
C8orf4	0
CHRNA3	0
POTEA	0
LINC00293	0
C8orf22	0
SNTG1	0

NPBWR1	0
RP1	0
XKR4	0
LOC100507651	0
LOC286177	0
LINC00588	0
MIR4470	0
NKAIN3	0
UG0898H09	0
LOC100130155	0
MIR124-2	0
BHLHE22	0
LOC100505659	0
PREX2	0
LOC100132891	0
RNU6-83	0
KCNB2	0
MIR5681A	0
FLJ39080	0
MIR2052	0
PI15	0
CRISPLD1	0
PKIA	0
MIR5708	0
ZBTB10	0
RALYL	0
REXO1L2P	0
REXO1L2P	0
CNBD1	0
LINC00534	0
MIR4661	0
MIR3150A	0
KCNS2	0
MIR4471	0
FLJ42969	0
NACAP1	0
GRHL2	0
MIR5680	0
ODF1	0
MIR3151	0
DCSTAMP	0
PKHD1L1	0
MIR2053	0
AARD	0
SLC30A8	0
MAL2	0
COL14A1	0
FER1L6	0
LOC157381	0
MIR1204	0
MIR1205	0
MIR1206	0
MIR1207	0
MIR1208	0
WISP1	0
LOC286094	0
KHDRBS3	0
LOC731779	0
MIR4472-1	0
LINC00051	0
GML	0
SCXB	0
SCXA	0
OR4F21	0
LOC286083	0
CSMD1	0
MIR4659B	0
XKR5	0
DEFB1	0
DEFA4	0
DEFA8P	0
DEFA9P	0
DEFA10P	0
DEFA1B	0
DEFT1P2	0
DEFA1	0
DEFT1P2	0
DEFA1	0
DEFA11P	0

LOC349196	0
LOC349196	0
LOC349196	0
FAM66B	0
ZNF705G	0
DEFB4B	0
DEFB103A,DEFB103B	0
SPAG11B	0
DEFB104A	0
DEFB106B	0
FAM90A7P	0
FAM90A7P	0
DEFB107B	0
DEFB105A	0
USP17L8	0
DEFB109P1B	0
MIR548I3	0
LINC00599	0
MIR124-1	0
MIR1322	0
MIR598	0
LOC100133267	0
LOC392196	0
USP17L7	0
USP17L2	0
DEFB130	0
LOC649352	0
DEFB109P1	0
MIR3926-1	0
LOC340357	0
MIR383	0
FGF20	0
FGL1	0
LOC100128993	0
SLC18A1	0
LZTS1	0
GFR2	0
LG13	0
PEBP4	0
NKX2-6	0
NEFL	0
EBF2	0
CHRNA2	0
MIR3622B	0
MIR4287	0
MIR4288	0
LINC00589	0
MIR3148	0
MIR54802	0
TEX15	0
DUSP26	0
GOT1L1	0
ADRB3	0
C8orf86	0
ADAM3A	0
ADAM2	0
ZMAT4	0
SFRP1	0
NKX6-3	0
MIR486	0
CHRNA6	0
EFCAB1	0
SBF1P1	0
SNORD54	0
MOS	0
SDR16C5	0
PENK	0
LOC100507632	0
CYP7A1	0
TOX	0
CA8	0
LOC100130298	0
LOC401463	0
CYP7B1	0
LINC00251	0
CRH	0
PTTG3P	0
SNORD87	0
TCF24	0

PPP1R42	0
CPA6	0
LOC286189	0
EYA1	0
MSC	0
TRPA1	0
LOC392232	0
MIR5681B	0
ZFHX4-AS1	0
PMP2	0
FABP9	0
FABP4	0
CA1	0
REXO1L2P	0
REXO1L1	0
REXO1L2P	0
REXO1L1	0
REXO1L2P	0
REXO1L2P	0
REXO1L2P	0
REXO1L2P	0
PSKH2	0
SLC7A13	0
CNGB3	0
MMP16	0
CALB1	0
FLJ46284	0
C8orf87	0
MIR378D2	0
LOC100288748	0
MIR3150B	0
C8orf69	0
LOC100500773	0
TSPYL5	0
MIR599	0
MIR875	0
RGS22	0
DPYS	0
ANGPT1	0
RSPQ2	0
KCNV1	0
LINC00536	0
TNFRSF11B	0
MIR4663	0
ANXA13	0
FER1L6-AS1	0
LOC727677	0
LOC728724	0
GSDMC	0
MIR5194	0
ADCY8	0
OC90	0
HHLA1	0
SLA	0
MIR30B	0
MIR30D	0
FAM135B	0
COL22A1	0
GPR20	0
MROH5	0
SLURP1	0
LYPD2	0
LY6D	0
CYP11B1	0
CYP11B2	0
LY6H	0
MIR4664	0
MIR661	0
DMRT3	0
VLDLR	0
MIR101-2	0
INSL4	0
PDCD1LG2	0
MIR4665	0
IL33	0
TPD52L3	0
LINC00583	0
LOC389705	0
MIR3152	0

MIR491	0
IFNA1	0
C9orf53	0
DMRTA1	0
IFNK	0
TMEM215	0
SPINK4	0
SNORD121B	0
LOC415056	0
MIR4667	0
RECK	0
GLIPR2	0
SPATA31A2	0
SPATA31A2	0
FAM74A1	0
SPATA31A3	0
FAM74A3	0
SPATA31A5	0
LOC643648	0
FAM95B1	0
FOXD4L4	0
CNTNAP3B	0
LOC643648	0
FAM27A	0
LOC643648	0
ANKRD20A4	0
C9orf135	0
TMC1	0
RORB	0
PCA3	0
FOXB2	0
SPATA31D5P	0
SPATA31D4	0
SPATA31D3	0
SPATA31D1	0
C9orf170	0
CTSL3P	0
CTSL1P8	0
SPATA31E1	0
SPATA31C1	0
MIR3153	0
UNQ6494	0
MIR3910-1	0
LINC00475	0
SUSD3	0
MIR4291	0
MIRLET7A1	0
MIRLET7F1	0
MIR2278	0
MIR23B	0
MIR27B	0
MIR24-1	0
LOC441455	0
FOXE1	0
COL15A1	0
LPPR1	0
CYLC2	0
OR13F1	0
OR13C8	0
OR13D1	0
MUSK	0
MIR4668	0
BSPRY	0
MIR455	0
DEC1	0
LOC100128505	0
TLR4	0
OR1J2	0
OR1J4	0
OR1N2	0
OR1L1	0
OR1L3	0
OR1L4	0
OR5C1	0
OR1K1	0
LHX2	0
GPR144	0
MIR181A2HG	0
MIR181A2	0

MIR181B2	0
MIR2861,MIR3960	0
MIR2964A	0
C9orf106	0
PRRX2	0
SNORD62A	0
SNORD62B	0
CELP	0
SNORD24	0
SNORD36B	0
SNORD36A	0
SNORD36C	0
DBH	0
MIR4669	0
FCN2	0
OLFM1	0
LOC401557	0
C9orf62	0
OBP2A	0
LCN9	0
MIR126	0
MIR4292	0
MIR4479	0
PTGDS	0
LCNL1	0
MIR602	0
FAM138C	0
INSL6	0
PTPRD	0
MPDZ	0
CER1	0
FREM1	0
MIR4473	0
MIR4474	0
IFNB1	0
IFNW1	0
IFNA21	0
IFNA4	0
IFNA7	0
IFNA10	0
IFNA16	0
IFNA14	0
IFNA22P	0
IFNA5	0
IFNA6	0
IFNA13	0
IFNA2	0
MIR31	0
ELAVL2	0
IZUMO3	0
LINGO2	0
MIR876	0
MIR873	0
LOC401497	0
TAF1L	0
AQP7	0
SUGT1P1	0
SNORD121A	0
CCL27	0
CCL19	0
CCL21	0
FAM205A	0
FAM205B	0
SIT1	0
FAM221B	0
OR2S2	0
MIR4475	0
PAX5	0
MIR4540	0
MIR4476	0
CNTNAP3	0
SPATA31A4	0
LOC653501,ZNF658B	0
FAM95B1	0
ANKRD20A2,ANKRD20A3	0
LOC642929	0
SPATA31A6	0
FAM74A2,FAM74A4	0
SPATA31A5	0

LOC286297	0
FAM27B	0
FOXD4L4	0
PRKACG	0
LOC494558	0
MIR204	0
C9orf57	0
MIR548H3	0
VPS13A-AS1	0
MIR7-1	0
LOC494127	0
LOC392364	0
SPATA31C2	0
LOC286238	0
MIR4289	0
LOC286370	0
MIR4290	0
LOC340515	0
DIRAS2	0
LOC100129316	0
MIR3910-2	0
ROR2	0
MIR4670	0
FBP1	0
MIR3074	0
LINC00092	0
LOC158434	0
LOC286359	0
HEMGN	0
PPP3R2	0
OR13C4	0
OR13C3	0
OR13C5	0
OR13C2	0
OR13C9	0
MIR548Q	0
MIR32	0
FRRS1L	0
TXNDC8	0
LPAR1	0
OR2K2	0
LRRC37A5P	0
AMBP	0
LOC100505478	0
TNFSF8	0
TNC	0
LINC00474	0
SNORA70C	0
DBC1	0
MIR147A	0
MIR4478	0
LHX6	0
OR1J1	0
OR1N1	0
OR1L8	0
OR1B1	0
SNORD90	0
MIR601	0
MIR4672	0
MIR199B	0
MIR3154	0
MIR219-2	0
GBGT1	0
OBP2B	0
TMEM8C	0
FAM163B	0
MIR3689A,MIR3689E	0
MIR3689C	0
MIR3689D1	0
MIR3689B	0
MIR3689D2	0
MIR3689F	0
FCN1	0
GLT6D1	0
SOHLH1	0
MIR4673	0
MIR4674	0
LCN6	0
LCN8	0

MIR3621	0
PLCXD1	0
LINC00685	0
SHOX	0
CSF2RA	0
MIR3690	0
IL3RA	0
ASMTL-AS1	0
AKAP17A,ASMT	0
CD99P1	0
CD99	0
GYG2	0
ARSH	0
ARSF	0
MIR4767	0
MIR651	0
CLCN4	0
AMELX	0
FRMPD4	0
TLR8	0
LOC100093698	0
LOC100133123	0
EGFL6	0
BMX	0
S100G	0
MIR4768	0
CNKSR2	0
ZNF645	0
DDX53	0
PTCHD1	0
SUPT20HL1	0
SCARNA23	0
MAGEB18	0
MAGEB5	0
VENTXP1	0
DCAF8L2	0
IL1RAPL1	0
MAGEB3	0
MAGEB1,MAGEB4	0
FAM47B	0
MAGEB16	0
FAM47C	0
CXorf27	0
SYTL5	0
MPC1L	0
DUSP21	0
RGN	0
ZNF157	0
SNORA11C	0
MIR4769	0
CXXC1P1	0
SPACA5,SPACA5B	0
SSX6	0
SPACA5,SPACA5B	0
SSX1	0
SSX4B	0
GLOD5	0
GATA1	0
GAGE10	0
GAGE12J	0
GAGE12D,GAGE12F,GAGE13,G	0
GAGE12D	0
GAGE12D,GAGE12F	0
GAGE12D,GAGE12F	0
GAGE12D	0
GAGE2A	0
GAGE1	0
MIR532	0
MIR188	0
MIR500A	0
MIR362	0
MIR501	0
MIR500B	0
MIR660	0
MIR502	0
BMP15	0
NUDT10	0
CENPV2	0
MAGED4	0

XAGE2,XAGE2B	0
XAGE1C,XAGE1E	0
XAGE1B,XAGE1C	0
SSX8	0
SSX2,SSX2B	0
XAGE5	0
FAM156A,FAM156B	0
PAGE5	0
MIR4536-1	0
MAGEH1	0
FOXR2	0
MIR223	0
FAM155B	0
EDA	0
MIR676	0
AWAT1	0
ARR3	0
GJB1	0
FLJ46446	0
CXorf49B	0
NHSL2	0
FLJ4635	0
DMRTC1B	0
LINC00684	0
PABPC1L2B	0
CDX4	0
MIR374C	0
ZCCHC13	0
MAGEE1	0
FGF16	0
LPAR4	0
P2RY10	0
GPR174	0
TBX22	0
FAM46D	0
POU3F4	0
CYLC1	0
UBE2DNL	0
DACH2	0
KLHL4	0
CPXCR1	0
TGIF2LX	0
PABPC5	0
TNMD	0
NXF2B	0
NXF4	0
TCEAL7	0
PLP1	0
TMSB15B	0
H2BFXP	0
H2BFM	0
ZCCHC18	0
IL1RAPL2	0
NRK	0
MUM1L1	0
RNF128	0
COL4A5	0
MIR3978	0
TDGF1P3	0
PAK3	0
DKFZp686D0853	0
TRPC5OS	0
HTR2C	0
SNORA35	0
MIR764	0
MIR1912	0
MIR1264	0
MIR1298	0
MIR1911	0
MIR448	0
RBMXL3	0
SLC6A14	0
MIR1277	0
AKAP14	0
RHOXF2B	0
ATP1B4	0
LOC100129520	0
CXorf64	0
XPNPEP2	0

SASH3	0
ARHGAP36	0
OR13H1	0
HS6ST2-AS1	0
CCDC160	0
SMIM10	0
FAM127A	0
LINC00086	0
CT45A1	0
CT45A2,CT45A3,CT45A4	0
SAGE1	0
GPR112	0
BRS3	0
VGLL1	0
MIR934	0
LOC100128420	0
ZIC3	0
FGF13-AS1	0
SRD5A1P1	0
F9	0
LOC389895	0
RP1-177G6.2	0
SPANXB2	0
SPANXB1	0
SPANXA2-OT1	0
SPANXA2	0
MAGEC3	0
MAGEC1	0
SPANXN4	0
UBE2NL	0
SPANXN1	0
TMEM257	0
CXorf51B	0
AFF2	0
MAGEA11	0
HSFX2	0
MAGEA9B	0
MIR2114	0
MIR4330	0
GPR50	0
PASD1	0
PRRG3	0
FATE1	0
CNGA2	0
GABRQ	0
MAGEA6	0
MAGEA2,MAGEA2B	0
CSAG2,CSAG3	0
PNMA3	0
PNMA6C,PNMA6D	0
ZFP92	0
DUSP9	0
AVPR2	0
MIR3202-1	0
OPN1MW	0
OPN1MW	0
FAM223B	0
CTAG1B	0
SNORA56	0
H2AFB1	0
H2AFB3	0
F8A1	0
MIR1184-3	0
TMLHE-AS1	0
SPRY3	0
VAMP7	0
IL9R	0
GTPBP6	0
PPP2R3B	0
CRLF2	0
SLC25A6	0
ASMTL	0
P2RY8	0
DHRX,ZBED1	0
ARSE	0
MXRA5	0
NLGN4X	0
MIR4770	0
VCX2	0

KAL1	0
FAM9A	0
FAM9B	0
ARHGAP6	0
TLR8-AS1	0
FAM9C	0
ATXN3L	0
ASB9	0
ASB11	0
RAI2	0
SCML2	0
MIR23C	0
KLHL34	0
SMPX	0
PHEX-AS1	0
LOC100873065	0
SUPT20HL2	0
PCYT1B	0
SMEK3P	0
DCAF8L1	0
NR0B1	0
CXorf21	0
FTHL17	0
DMD	0
FAM47A	0
TMEM47	0
LOC286442	0
LOC100132831	0
PPP1R2P9	0
MAOB	0
NDP	0
EFHC2	0
MIR222	0
SSX5	0
SSX9	0
SSX3	0
SSX4B	0
CACNA1F	0
PAGE1	0
AKAP4	0
DGKK	0
NUDT11	0
CENPVP2	0
MAGED4,MAGED4B	0
SNORA11D	0
SNORA11E	0
XAGE1B,XAGE1D	0
XAGE2,XAGE2B	0
XAGE1C	0
XAGE1A,XAGE1C	0
SSX7	0
SSX2	0
SPANXN5	0
XAGE3	0
MIR98	0
MIRLET7F2	0
ITIH6	0
PAGE3	0
USP51	0
ZXDA	0
MIR1468	0
ASB12	0
MTMR8	0
FRMD8P1	0
VSIG4	0
TEX11	0
SLC7A3	0
CXorf65	0
CXCR3	0
CXorf49B	0
LINC00684	0
DMRTC1B	0
PABPC1L2A	0
MIR421	0
MIR374B	0
MIR545	0
MIR374A	0
KIAA2022	0
MAGEE2	0

MIR384	0
CYSLTR1	0
ZCCHC5	0
MIR4328	0
ITM2A	0
HDX	0
NAP1L3	0
LOC643486	0
LOC442459	0
NXF5	0
NXF2	0
TMSB15A	0
BEX1	0
NXF3	0
BEX2	0
GLRA4	0
H2BFWT	0
H2BFXP	0
ESX1	0
TEX13A	0
SERPINA7	0
NUP62CL	0
IRS4	0
GUCY2F	0
SNORD96B	0
CHRD1	0
RNU6-28	0
LHFPL1	0
MIR4329	0
LRCH2	0
CXorf61	0
KLHL13	0
MIR766	0
RHOXF2B	0
RHOXF1	0
CT47B1	0
CT47A1,CT47A4	0
CT47A8	0
CT47A11	0
CT47A5	0
CT47A3	0
CT47A7	0
CT47A1,CT47A2,CT47A6	0
CT47A2	0
CT47A9	0
CT47A8	0
CT47A6	0
TENM1	0
DCAF12L2	0
DCAF12L1	0
ACTRT1	0
SMARCA1	0
GPR119	0
FRMD7	0
HS6ST2	0
USP26	0
TFDP3	0
GPC3	0
MIR363	0
MIR92A2	0
MIR19B2	0
MIR20B	0
MIR18B	0
MIR106A	0
MIR450B	0
MIR450A1	0
MIR450A2	0
MIR542	0
MGC16121,MIR424	0
MIR503	0
FAM127C	0
FAM127B	0
LINC00087	0
CT45A4	0
CT45A6	0
SNORD61	0
GPR101	0
LOC158696	0
MIR504	0

MIR505	0
CXorf66	0
SOX3	0
CDR1	0
MIR320D2	0
LDOC1	0
SPANXC	0
SPANXA2	0
MAGEC2	0
SPANXN3	0
SLITRK4	0
SPANXN2	0
MIR890	0
MIR888	0
MIR892A	0
MIR892B	0
MIR891B	0
MIR891A	0
CXorf51A	0
MIR506	0
MIR507	0
MIR508	0
MIR514B	0
MIR509-1	0
MIR509-3	0
MIR509-1	0
MIR510	0
MIR514A1	0
MIR514A2	0
MIR514A3	0
MAGEA9B	0
HSFX2	0
GABRE	0
MIR452	0
GABRA3	0
MIR105-1	0
MIR767	0
MIR105-2	0
CSAG2,CSAG3	0
MAGEA2,MAGEA2B	0
MAGEA3	0
PNMA5	0
PNMA6D	0
MAGEA1	0
PDZD4	0
MIR3202-2	0
MIR718	0
TEX28	0
CTAG1A	0
CTAG2	0
MIR1184-1	0
MIR1184-3	0
F8A1	0
H2AFB3	0
PLCXD1	0
LINC00685	0
SHOX	0
CSF2RA	0
MIR3690	0
IL3RA	0
ASMTL-AS1	0
AKAP17A,ASMT	0
CD99P1	0
CD99	0
XGPY2	0
RPS4Y1	0
ZFY	0
LINC00278	0
TGIF2LY	0
TSPY2	0
TTY1B	0
TTY21	0
TTY7,TTY7B	0
TBL1Y	0
PRKY	0
TTY12	0
TTY19	0
TSPY3,TSPY4,TSPY8	0
TSPY1	0

TTY8B	0
TTY2	0
TTY22	0
TTY23B	0
TTY15	0
USP9Y	0
DDX3Y	0
TMSB4Y	0
VCY	0
NLGN4Y	0
FAM41AY1	0
CDY2A,CDY2B	0
XKRY	0
FAM224A,FAM224B	0
HSFY1,HSFY2	0
TTY9A	0
TXLNG2P	0
EIF1AY	0
RPS4Y2	0
RBM1B	0
RBM1B	0
TTY6,TTY6B	0
RBM1F,RBM1J	0
PRY2	0
TTY17C	0
TTY4	0
BPY2	0
DAZ2,DAZ3,DAZ4	0
TTY17C	0
TTY4	0
BPY2	0
DAZ2,DAZ3,DAZ4	0
GOLGA2P2Y	0
CSPG4P1Y	0
CDY1	0
TTY3	0
SPRY3	0
VAMP7	0
IL9R	0
GTPBP6	0
PPP2R3B	0
CRLF2	0
SLC25A6	0
ASMTL	0
P2RY8	0
DHRX,ZBED1	0
SRY	0
TTY23B	0
TTY2	0
TTY8B	0
AMELY	0
TTY16	0
TTY18	0
TTY11	0
RBM1A3P	0
TTY20	0
FAM197Y5	0
FAM197Y5	0
FAM197Y2	0
FAM197Y2	0
FAM197Y2	0
RBM3AP	0
TTY7,TTY7B	0
TTY21	0
TTY1B	0
VCY	0
NLGN4Y-AS1	0
FAM224A,FAM224B	0
XKRY2	0
CDY2A,CDY2B	0
FAM41AY2	0
TTY9B	0
HSFY1,HSFY2	0
NCRNA00185	0
TTY14	0
BCORP1	0
KDM5D	0
TTY10	0
RBM2EP	0

TTY13	0
RBM1B	0
RBM1B	0
PRY	0
RBM1J	0
TTY5	0
TTY6,TTY6B	0
DAZ1,DAZ4	0
TTY3B	0
CDY1	0
CSPG4P1Y	0
GOLGA2P2Y	0
DAZ3,DAZ4	0
BPY2C	0
TTY4B	0
TTY17B	0
KIF26A	2.39654
CDK19	1.72245
RPP38	28.1902
ALDH1B1	18.9257
ASPHD2	3.71972
SASS6	1.63955
PTK2	25.7295
DOCK7	3.2505
UBE2L6	24.0654
FZD3	1.1833
DNAJC5	12.835
ESPL1	4.98202
RBL2	3.66446
EHMT1	11.2624
ZNF430	0.978753
NUDT7	4.64569
RPS15A	5077.71
PAX2	1.79209
URM1	82.0693
MESDC1	19.1354
FBXL15	13.1426
PARPBP	1.81286
ABHD5	2.71226
CBWD6	3.46141
SLC35E3	5.64481
DMWD	10.7842
DDX54	34.2307
SAMD9	0.126584
PPFIA3	4.38121
GPAM	1.16586
FHL2	390.095
CASD1	3.6989
RNF220	41.0953
TRAPPC5	221.085
TMEM98	44.3109
ZNF180	2.16186
DDX6	10.6925
SUGT1	29.8845
MAD2L1BP	41.3281
SS18L1	2.78593
NKD2	14.5723
GPR137C	0.0681024
CD164	42.1637
ZNF480	1.33784
TEAD1	4.63581
NKTR	1.18624
PLSCR1	5.91923
RNF25	27.1803
NDUFA11	519.023
NRG4	0.291692
ZFP69	1.62953
LSM14A	25.9797
TGFB3	1.55161
ARHGAP17	9.46323
APEH	99.423
C7orf26	21.672
JRKL	1.78586
FAM49B	22.8545
AGAP5	0.769592
TOP2A	10.4228
SNN	6.95238
BRD4	8.41955
PIGV	5.03585

SESN3	0.123396
UBR5	6.03792
DGKQ	5.21229
OSGIN2	9.94758
WASH1	6.39684
GATC	9.20913
UBE2W	5.06339
ZNF442	0.404515
CBL	3.37648
DENND5A	9.08741
CEP250	8.79848
ZNF337	4.06356
RNF19A	7.09348
ATG14	3.30606
PTGR2	2.22803
STAG3	0.170093
ACBD3	8.68448
TEAD2	9.13064
SETDB1	4.75327
HDGF	174.596
TMEM55B	30.5797
WNT3	1.10038
MTMR12	3.77187
DKFZP586I1420	1.00198
HTRA2	19.1381
IWS1	11.187
GSTO2	40.189
SPG7	20.4262
ATP6V1B2	33.7858
ZNF296	25.1701
ZNF182	1.28661
UBAC1	40.6576
CTCF	10.82
ZBTB49	1.5895
CREB3L4	5.95619
CDC25B	21.3817
RUNDC1	5.60506
IDH1	12.3854
MRPS28	40.2591
IL21R-AS1	0.0366688
PLK1	75.113
LOC728554	27.1081
IMMT	38.6259
KIF23	10.9558
DNASE2	42.5229
RBM27	2.75762
SCRIB	35.508
GLT25D1	53.5148
ERMAP	1.8875
UQCRCFS1	131.698
FAM50A	90.02
UBQLN1	34.7229
NDUFAF5	5.75294
SOX8	18.7788
CCDC159	3.42317
STRBP	9.33418
SPATA9	0.0336299
BIN1	37.7356
SOGA2	4.11027
SPOCK2	0.0321139
ASPH	45.1139
PRSS27	1.60876
LOC284454,MIR24-2	9.47112
COPS6	163.423
PARP2	13.2038
PPHLN1	18.8052
DSTYK	1.8207
KRTCAP2	363.209
C17orf89	83.1269
ANO7	2.82078
SAPCD2	61.9207
CYC1	247.018
ALG3	66.0322
SFT2D2	3.97733
TPT1	4594.86
FECH	1.80947
XPNPEP1	32.1025
MRPL47	36.9027
FAM213B	18.1179

NME1,NME1-NME2,NME2	1870.86
EFCAB14	6.14949
ZDHC13	7.31123
SNAPIN	36.7652
C6orf1	48.164
PGD	113.866
BOK	62.5069
MMGT1	5.68301
PPP1R21	3.5483
MSH4	0.477421
PPAP2C	90.2061
CRADD	9.91322
IQSEC1	6.69358
KCTD6	5.60822
RFK	10.0934
UBE2K	14.9452
TLE4	0.520301
IFRD2	84.8173
UGT8	2.70927
TAF1	2.32597
SERP1	47.2548
DNAJC14	10.5458
RELL2	6.48974
TSSK4	0.123317
PTOV1-AS1	1.98422
LGALS3	51.2004
BET1	10.3483
CHMP4C	51.2394
SF3B1	32.525
LGR4	1.11098
RBFA	4.95709
SLC25A35	1.33272
KRI1	21.7274
RNF166	17.0409
KPNA6	7.84889
TET3	1.13934
ZNF175	1.6723
RARA	8.83668
C19orf54	8.95886
MROH6	3.67606
NR2C2AP	43.3454
ZBTB42	4.63419
SLBP	44.9862
RNF2	9.24416
SH3PXD2A	1.18327
FAM149A	1.19436
TOP2B	13.8069
BRE	32.0764
SLC36A4	3.18373
POLR3H	21.9635
C17orf53	5.28405
ZC3H12A	2.93396
SHANK3	6.09303
KIAA0907	9.01718
GRIK1-AS2	0
PNKP	37.7935
C9orf16	366.194
WDR89	3.63102
EIF2AK4	7.63339
GRIN3A	0.0338777
NUP35	7.78882
STAT5A	9.05958
NOP56	69.2382
RPL38	4953.26
NFU1	37.2288
KIAA1609	5.59954
CCDC109B	33.074
ENTPD5	0.310361
MTF1	1.11348
GFOD2	16.9921
LRRC14	8.46
KIF27	0.420609
CHTOP	56.4207
ALDH18A1	38.4021
GPN3	21.4811
FAM96A	53.1573
BMP2K	2.24655
C18orf21	22.5782
BTBD1	21.6235

RPL28	2007.82
GLTP	37.9769
WVOX	5.41438
ARHGEF11	2.8758
CCP110	1.69203
ZNF646	2.61308
NR2F6	119.207
GALNT2	8.71585
NT5DC2	98.4564
MAST3	3.18221
MTHFSD	5.17235
WBP11	24.1441
ZNF652	0.940748
PEX26	7.46639
MAPK14	8.62424
RPS15	5275.44
PON2	34.49
TNFRSF10B	36.7165
MRPL51	230.386
HERC2	2.62927
MRPL19	7.6356
PRIM2	8.10409
RPL14	3287.55
EMC6	161.709
KREMEN2	19.1265
KLF3	3.22023
ANKRD13B	9.48716
GPHN	5.85907
CAMKMT	2.9747
NUDT13	0.889058
PHAX	5.42396
USP14	12.0966
CDC27	7.55373
LUST	0.0967633
LOC100129034	18.9533
ASF1B	31.2073
MEF2A	4.64101
PARP3	11.4999
ZNF585B	0.918141
NSDHL	24.0506
PKMYT1	56.8358
FAM58A	37.336
PAX9	1.81326
CTBP2	15.9758
LMNB1	9.35153
LOC100133315	0.483137
MTR	1.64489
PFDN4	33.4643
E4F1	17.4757
HCCS	11.4242
RBM18	7.72747
VAMP8	0.878154
MPP6	3.35305
MDM4	3.9658
LOC646278	0.453851
TWF2	112.109
CD55	20.5806
EV15	1.83455
CACNB1	4.55603
STAU1	31.3897
CWC22	3.79977
NKIRAS1	4.72397
TMEM57	4.93285
UBA5	9.63494
RPL36AL	589.556
RPL31	5083.77
PURB	3.98828
ACVR1	3.90426
LOC100506990	4.32205
ZNF354A	6.64217
OAZ1	985.185
RTKN	20.3775
PEX19	14.0181
BM11,COMMD3,COMMD3-BM11	81.7322
MPG	206.993
RPL37	1077.33
SLC25A44	6.32192
SETD4	9.08377
TRAPPC10	2.49489

RPL7A	11448.1
C8orf76,ZHX1,ZHX1-C8ORF76	41.4233
PIK3C2A	2.88304
AMFR	30.0778
SERPINF1	0.313491
SMC3	8.39508
USF2	101.998
RBM22	21.6596
PRPF38A	15.7362
CHD1	2.97243
PKI55	1.08738
KIF14	1.39001
TSPAN4	50.3823
CASP9	3.89195
FAM73A	1.17412
RALA	13.2894
WDR52	0.187445
HOXA5	8.08515
GATA4	7.85611
CITED2	6.68624
MAP2K5	14.1609
FAXC	0.477776
RNF139	15.3193
VANGL1	1.62429
METRN	151.345
NRBP2	8.6278
PRPF39	6.80958
C1QTNF9B	0.264821
TMEM14C	158.495
PAK2	12.1324
NUDT8	36.9056
MATN1	0.104614
RPL22	369.919
ERCC3	21.3166
DHX40	6.10974
HOXB7	23.2846
MED9	9.20753
PHF23	18.8585
RASA4	4.79292
RHBDL3	0.977032
YES1	9.53378
CDK5RAP2	4.3383
C11orf73	30.001
SND1	97.2006
SUPT5H	34.4507
ATP1A3	8.41468
CEP170B	11.4015
UBASH3B	1.67532
RPL13A	10386.6
TUBA8	5.64573
TXNRD1	25.287
SPTLC1	26.5541
VPRBP	2.25224
PFDN5	504.121
ZNF76	9.93513
ISL1	0.12882
C9orf3	2.16693
MKS1	9.22945
KIAA0922	2.24008
PARP4	15.1126
PARVG	0.0848094
PIGM	2.13945
PTRH2	47.9582
NFYB	5.64962
FDPS	61.2288
ULK3	23.2744
ARAP3	6.37954
HOOK2	9.72105
ACTL10	2.70667
RNF113A	38.7591
LOC541471	437.232
SZT2	1.21757
HPCAL1	51.099
NOL12	6.90481
MLST8	80.8207
SNAPC1	6.38465
ICOSLG	2.68103
FRMD6	20.9104
NAA50	16.3574

CLTC	23.5011
MPND	25.2133
VRK3	12.0958
ATG4B	23.5054
NOL10	6.43352
UTP23	7.05741
JMY	1.64041
ZDHC9	14.3069
LEP	0.0487569
TMEM147	202.179
KPNA1	6.01028
TNFRSF10A	5.80681
SP2	4.30837
COX5A	346.164
ARIH2	16.652
ARF6	18.2784
TTLL5	2.35316
EEF1G	4198.54
CD63	649.523
CHMP3,RNF103,RNF103-CHMP3	23.4529
RPS26	2354.88
C10orf68,CCDC7	0.600808
TEX10	37.951
ALPK1	1.58171
ZNF232	12.2263
MAU2	6.63438
RNU12	0
RAB33B	1.3632
FAS	3.22345
C1orf85	31.1425
SGOL2	2.17692
C4orf29	0.646247
SEPT7L	0.114026
URB2	2.72007
HADHA	92.9656
THSD4	0.142621
EFHD2	51.2248
TBC1D30	0.0569604
HIBADH	14.0763
TMEM123	39.3252
LINC00654	0.0125667
PVR	17.3034
PCM1	4.91941
PDIA3P	1.20418
KIAA1429	5.95044
OVOL2	3.99196
ATP2A2	14.2196
TRMT2A	16.6378
EFCAB12	0.152622
ZNF281	2.01913
PSIP1	25.7195
AMPD3	3.00044
FHIT	15.1169
DNA2	1.08846
BCL10	35.129
BAG5	5.43904
TMEM165	46.4122
FAM83F	31.1838
PPP1R15A	250.382
C10orf114	9.90414
POLE3	37.2056
RAB22A	3.93757
XRCC1	20.1676
RETSAT	14.7631
TEFM	9.29079
COL4A3BP	4.59183
HSD17B4	10.6803
NUBP2	99.3785
GTF2H1	10.4919
NDRG4	3.57909
MTMR2	6.55788
RPP14	4.82799
MTA2	35.4252
CHID1	22.6517
SLC6A12	0.0881901
RPS6KA5	0.375652
HACE1	0.777705
DDHD2	3.52887
CA2	6.1666

SGMS1	2.74296
LOC100505783	1.40648
ENDOG	36.6135
SUPT4H1	36.5759
RAI14	5.60309
EPC2	3.02091
CHERP	21.3639
NPIPL3	3.69216
SLC25A17	12.7741
TRAPPC12	18.3105
UBXN1	163.885
STK16	10.7431
ZNF816,ZNF816-ZNF321P	3.1919
XPA	8.69041
APIP	14.413
LINC00674	2.53187
PIP5K1C	8.72913
C3orf37	35.2111
UBR1	1.23026
ZC3H3	21.5254
ST7	10.0333
PAPD4	6.19589
ZNF583	1.09871
MZT2B	424.146
NANP	2.31886
GLYR1	11.7007
NDC80	11.3735
C3orf17	9.94187
GADD45B	60.7317
MRPS12	131.877
CHMP5	36.591
PRRC2C	4.75336
DHX35	3.37127
C9orf142	160.241
TBL1XR1	17.4825
COIL	5.1278
DAPK1	2.65718
ZNF74	8.82691
RNF217	0.487328
ZNF706	40.9299
CLEC4A	0.798573
NCEH1	2.05555
SSH1	6.07269
SSFA2	6.31702
ECE1	13.8807
DEAF1	36.7368
LONP1	112.211
SEP15	54.2337
BRI3	369.235
AFTPH	6.59157
GPIHBP1	0.0265271
SLC4A7	1.59098
TAPT1	2.12409
NDUFAF3	72.7402
CHORDC1	9.49233
MXD1	7.22047
CCDC47	19.1217
PRKRIR	12.1076
XRCC6	191.373
IQGAP3	9.46966
MRPS24,URGCP,URGCP-MRPS:	327.916
NAA35	10.5559
DEPDC1	6.64842
DSE	2.78661
PSMD7	46.2348
H3F3A	398.016
MYO9B	12.3096
ZC3H15	31.3163
MAVS	4.28178
BTF3	877.267
SLC4A2	69.7027
GLUL	22.0227
CLSPN	0.690568
USH2A	0.00595111
C14orf2	403.075
ADAM10	2.49421
FAM20B	7.94989
SLC16A11	0.424583
PRPF4	16.5431

RPL21	4210.19
TAF1C	14.3713
MDK	652.517
RBBP4	7.44524
AOC2	1.94573
TUBA1C	528.367
PITHD1	29.4035
WDR48	5.2607
TYSND1	15.7546
C19orf52	19.0042
SLC35D2	26.5124
EML2	16.093
SRP9	123.251
XG	0.0270358
ASH1L	1.0857
RPS24	3656.96
SCARNA2	2.9083
ZNF554	1.22018
DNAJC13	2.37258
PLCH1	0.435135
PCDH1	5.16509
PDDC1	18.0998
ZNF215	1.8014
PHYH	34.5048
TCTN3	20.6371
THRAP3	25.6156
CMTM6	12.6057
BRAP	4.88091
C18orf32,RPL17,RPL17-C18orf32	4203.93
CDAN1	4.90759
VASH2	0.369204
ANKRD27	8.44321
BTN2A3P	0.172678
CBWD3	0.33692
PRRG4	2.05863
BMS1P1	0.080901
DCTN6	18.8528
PARN	9.71786
WNT2B	0.928543
RPL9	5250.19
ADK	17.1235
CDK9	45.5854
ERC1	2.43092
UBXN4	15.7122
COA5	10.5083
PTPN2	21.0133
LANCL2	2.0736
PIH1D1	100.269
TPM3	62.9725
POU2F1	0.992637
UBE2MP1	3.77531
ZNF546	0.231947
DNAJB13	0.0247567
TBC1D19	1.51185
TNFAIP2	6.53651
TMEM38B	12.194
LOC100505718	4.83335
AURKAIP1	244.592
PSMA6	151.739
AMOTL2	17.294
TIAL1	18.4407
HAVCR2	0.0705176
ALKBH3	21.6176
U2SURP	8.57715
SRC	20.737
FAM103A1	18.9074
RPUSD1	84.0661
NEAT1	53.7641
COX18	4.01157
PDCD2L	29.0245
FADD	32.4626
QARS	92.679
RAVER2	5.19679
SHARPIN	99.6955
EIF4G2	96.8544
TUBB2A	13.5333
ZC3HC1	20.8956
GLDC	0.0234991
ABR	19.6978

KLF16	55.019
TPM4	285.556
ATP11B	3.68031
CCDC43	7.16887
CNOT7	27.6964
REEP4	55.0688
ZFAND6	28.8213
ACAD10	2.27967
MRPL36	118.48
RFWD2	9.38014
CLTB	130.592
KCTD20	5.45166
DIMT1	27.0435
FAHD2A	23.4428
GGA1	31.4138
SDHD	55.3859
TAF7L	0.051059
ZCCHC8	4.927
MGST1	136.109
RPL35	10295.2
PDHX	9.24043
OGFOD3	5.34325
LRTOMT	1.16024
MMP19	1.76495
KAAG1	0.745058
ZNF211	1.19967
PDE8A	5.21886
PEX16	26.379
ADNP	11.2998
PRCC	21.538
ZFYVE21	25.7994
NTPCR	38.9655
APMAP	48.9264
CCT6P1	2.78893
MACF1	4.4099
RAD52	3.23735
VTA1	7.24849
AKT1	69.553
ZNF263	13.5093
WDR3	13.0667
POMP	84.369
RHOT2	43.2538
TMEM249	1.25227
ERGIC3	146.698
NUP155	6.1435
MBOAT4	0.0329032
RHOA	280.233
MYO9A	0.220279
FXYD5	479.37
UBE2J2	33.7881
ANKRD13D	18.2901
USP9X	6.15421
WBP2	150.441
UBTF	19.4746
ZNF668	10.2532
LOC440434	10.5984
TMEM230	61.7268
TDP2	15.0794
RAI1	4.29696
PROSER2	3.82136
ZNF259	42.4929
CDCP1	25.1894
ARHGEF18	10.4407
FAM179B	0.720314
FJX1	28.415
KIAA0146	7.67911
GPLD1	0.357155
CDKN2AIP	4.30451
UBR2	2.49309
CPLX3	0.0263869
ATP5G2	896.843
PURA	4.51199
GOLGA2P5	1.13499
KCNQ1OT1	0.0638585
P2RY11,PPAN,PPAN-P2RY11	44.6727
GPX8	13.2721
ARF1	303.492
DHDH	5.5517
FAM22G	0.156248

GLE1	33.517
FDXACB1	1.44638
PCNXL4	13.2959
PCNT	2.2119
RPL29	5840.53
MAP3K8	0.756173
TCEAL1	10.4651
PLAC4	0.0708564
MBD1	14.1469
PREP	14.1122
NDUFV3	32.9463
COQ5	15.8181
SYDE2	1.32023
ZNF140	7.70689
RRP7B	4.68163
LOC100190986	0.697067
COMMD2	3.93134
TBRG1	4.44719
IL17D	2.46226
NEK6	29.7798
AK2	72.7969
SLC12A6	1.28082
SEC62	8.32216
NUDCD1	23.1217
UROS	23.4251
RPUSD4	25.5221
HLA-E	157.672
POLD2	152.192
REEP2	42.655
ZC3H12B	0.247577
MCCD1	0
ZMYND19	84.806
LOC648987	1.43945
TOR4A	57.3779
DCTN2	66.8271
KIAA1731	0.735986
ACE	3.63352
CSK	80.9083
RPRD1A	11.1022
MRPL40	81.2542
HLA-C	680.439
ZNF407	0.824788
C16orf70	5.42997
LONRF3	2.80275
CD7	0.0655119
SORT1	5.67938
KIAA1598	3.76791
KIAA0141	12.8351
SPG21	79.3881
SAR1B	2.98545
EMB	1.85768
SENP1	3.21982
OCRL	8.69799
UGGT1	3.95432
TRIP6	308.825
PCSK7	8.34588
KARS	82.6823
SLC19A1	23.7507
EIF4H	197.391
MRAP2	1.35637
NTN1	2.61382
ZNF564	2.16655
RXRA	15.7451
MFSD8	1.14722
HEXIM2	6.75029
RLIM	4.46636
VPS13D	0.854772
KIAA0825	0.0340916
LOC440311	0.304361
RPL24	4751.45
ZNF503-AS2	2.45129
BCAR1	26.119
FSTL3	38.1596
VTI1A	4.41449
HYAL2	18.4696
PRPS2	26.3333
AHCY	202.409
KIAA1614	0
SIM2	3.28636

LZIC	11.3513
ARHGAP11A	6.46719
PLD2	10.3254
ZFAND5	13.2434
CKAP5	15.3548
ATP6V1F	677.246
SEPT6	7.49725
APOO	12.2505
TRPM7	2.69141
AFF1	1.92962
CASP2	10.8168
CHRNA5	1.82916
HAUS1	39.5032
GNPTAB	2.32488
ZNF563	0.85984
C8orf59	175.937
ANKRD32	0.630642
HERC4	6.01164
CIAPIN1	24.1131
CHD9	1.69094
LSG1	7.92437
DDX39A	74.4164
FAM21B	1.12398
WAPAL	5.58224
LONP2	13.94
TMEM181	4.59652
USP42	2.51358
PRPF3	9.70886
PPP2R3C	18.6211
BRCA2	0.0913499
ERCC8	3.8373
CHTF18	12.7716
SPIN1	8.80784
TMEM127	10.1446
ZNF746	12.6699
CCDC28A	18.2644
NOSIP	82.7
IRAK1	148.834
FAM217B	1.79669
KCTD3	4.89667
DYNLL2	20.8031
NUS1	11.2028
TRIM35	5.521
KIAA1211L	0.23929
HOMER3	97.5098
PFN2	44.2484
LRRC16B	0.312515
LOC152217	25.4542
YAF2	2.5897
MTMR14	22.0396
ABCC1	10.5044
RNASE7	0.066495
VWCE	0.326352
AP1M1	17.9852
FAM117B	1.29248
ADAR	20.4201
TWF1	26.8563
SNX8	17.0792
UBXN2A	4.5865
BAIAP3	2.01096
CMTM2	0.14266
FAM182A	0.0383991
ANKRA2	2.6228
SF3B3	24.287
ERCC6L2	0.366451
SPATA2L	17.9679
TBCD	11.296
TIGD6	1.14718
COPG2,TSGA13	15.6635
MICALL1	24.2437
MTERFD1	36.4705
CEBPA	21.5616
DCTN1	31.0236
AP1G1	5.56351
RAPGEF5	0.955583
TJP1	5.38549
ANGPTL4	113.315
RPS2	12932.4
GTF3C1	6.35683

MCCC1	16.5951
CEP290	0.270028
C5orf51	4.7457
LOC90784	3.00277
JDP2	8.10145
UBE2D2	38.5144
NUP214	8.16173
WASL	9.73041
SKA1	9.15886
CALM1	34.5741
C17orf96	26.2355
HOXA11	5.34076
PPIA	670.502
CP	1.58936
MTBP	2.66013
ZMYND12	0.318951
DNAJC9	35.4902
RABL3	4.22086
ZNF75A	0.96209
DNM1L	11.9198
LRRC71	0.447334
EFNA2	4.70437
B4GALT6	3.59527
FKBP4	70.3619
C9orf85	9.30165
PPP2R2A	18.9043
KLHL22	7.84538
MTMR6	3.59815
NAAA	8.22868
CMPK1	26.3793
PDCD10	33.8543
ABT1	23.6619
AKAP1	13.4029
SNTB2	1.58805
UBAP1L	1.06936
SNRPC	113.646
CLTA	299.444
SLC35E4	10.5636
POLR3G	3.76286
CHRNA3	0.0639553
ERAL1	49.6955
VPS13A	1.26794
SMC1A	4.42537
TEP1	0.931922
ANKDD1A	1.16575
TST	84.5829
PHLDB1	3.121
TMEM133	0.415669
RBPJ	8.16373
CCSER2	1.66739
SNRNP200	26.8109
BTA1	3.55726
MRPS33	33.9216
BAI2	2.8958
PRDM4	10.2922
USP16	5.78251
CDRT4,TVP23C,TVP23C-CDRT4	9.04137
SFT2D3	6.56864
FAM208A	4.72696
TSPAN17	25.471
METTL23	24.0683
SAP30BP	25.3429
PEMT	74.1411
SLC22A5	2.69047
ZNF57	2.66497
GALE	99.9849
NEK2	11.5878
TIMP1	497.132
SETD1A	7.98185
ABCA10,ABCA5	0.456127
CPNE3	20.6007
KIAA0100	14.5516
PLEKHH1	1.76386
STAM	7.16556
DOCK1	5.63544
SLC10A3	29.0781
DYNLT1	85.9595
ICAM3	9.78494
BEND7	7.4112

METTL13	12.1277
SLMO1	9.15759
GCC2	0.648385
CBWD1	9.3905
DENND4A	1.29536
ZNF100	1.41575
PLD1	0.210128
FPGS	131.633
NLRX1	7.76478
ABHD15	5.97226
PPP2R5C	39.6953
KRAS	4.85931
NCOA5	10.6889
SERINC5	1.89091
SLC39A13	35.1499
TULP4	1.57677
IGF2BP2	33.2353
BCL7A	8.84549
STARD7	36.9685
SLC30A6	3.77076
PEX12	1.21686
ARF4	72.2671
CCDC88B	5.30405
MAP6D1	6.42416
UBFD1	7.93683
NAB1	4.40104
KCTD19	0
CSNK1E	70.7214
NPHP1	0.952387
LOC100272228	0.135427
MBLAC1	3.09214
KPNA3	6.84807
SART3	11.2381
VBP1	28.9504
ZBTB14	1.56024
MRPS18A	78.3406
AGPAT9	4.86071
FBXO48	0.177768
RPP25	68.045
TDP1	8.60607
DISP1	0.28444
MERTK	1.05011
SIPA1L1	5.1568
NEIL2	23.1607
MIP	0
MYL12A	411.588
STK35	6.72098
ACSL4	9.78368
ZNF277	13.0897
FAM72D	1.82326
N6AMT1	3.59883
FAM84A	0
UBL3	4.34189
CERK	11.3382
CWC27	8.96444
C6orf226	11.4491
UFC1	104.469
SUOX	4.39427
PRPF6	32.4814
TAF5L	6.49982
FBXO41	6.06088
IPO13	6.01476
STRIP1	6.53008
ERCC1	258.547
ASGR1	15.5157
PIM3	53.9144
MBTD1	2.71632
TRIP13	8.21979
RBM12B-AS1	1.09632
RPL19	6490.81
PCSK4	0.589509
HLA-B	437.936
ACTR2	36.4305
DPM2	148.652
VAPB	6.81224
SFR1	5.23292
TGFBRAP1	1.41371
PITRM1	23.0169
PIP4K2A	7.85219

USP54	1.03807
FAM129B	95.8862
C20orf27	137.637
USP5	29.4216
KPNA5	0.686868
C15orf57	21.0954
TERF2IP	24.5307
C1orf122	71.6157
KLHL26	5.25206
ASPSR1	24.4755
APH1A	112.522
COG6	3.24717
GGPS1	9.67026
OTUD4	3.8317
AMZ2	46.981
DPP7	349.367
NOL11	17.7046
HIATL1	18.2214
ARL16	25.6881
CTR9	8.54177
EAPP	22.6322
MAFG	11.7034
MBD2	11.2692
ATP7A	0.486317
FTSJ3	14.4954
DNAH10	0.0903794
TNNI3	10.2714
UBE3C	18.4286
KCNJ13	0.0221986
TRAPPC2	11.6099
TJP2	3.79716
SLC20A1	8.00599
LPHN1	12.9662
IAH1	47.8828
FRMD4A	12.9178
SMIM8	2.17275
C1orf170	1.02376
NSUN4	7.54757
ISOC2	91.2213
FOCAD	2.0542
TRIP12	9.67184
SLC18B1	9.03903
TTC7A	2.90722
MACROD1	107.158
SNAP29	6.81385
ERI3	52.4414
PEPD	41.6743
RNF152	0.852727
DISC1,TSNAX	10.3234
STAG3L2	1.71263
IARS2	28.0971
SLC22A18	14.9632
ATP6AP2	34.5228
KDM6A	2.20664
DERA	13.8045
RPS7	5001.45
TMCO1	13.4377
NAGK	14.8519
OGDH	6.4122
PDX1	2.39948
RNF41	12.6639
ARMC10	38.0089
LOC646626	2.48829
TCF12	9.01018
TMEM179B	64.4962
CYTH2	19.2049
ZNF444	27.2086
ILKAP	35.5023
TSSC1	17.2375
GARNL3	1.45148
ARID3A	6.60231
CIDECP	5.87371
TFPT	11.4228
FLVCR1-AS1	2.35902
CAPS	1.84754
NDUFV1	177.245
FBXO34	4.827
ZDHHC23	3.69203
REXO2	83.3153

FAM111A	4.67078
SUCLG2	24.549
DDB1	64.1936
NRDE2	1.70332
HAUS6	4.9301
MGA	1.3432
CRNKL1	4.88751
USP22	36.7358
NSMCE1	81.674
AFG3L1P	3.43677
PUS3	10.026
MRFS26	137.26
TAF4	4.6228
DYSF	0.152545
PWWP2B	30.0114
LACC1	1.05741
PRDX3	91.1699
LOC730183	2.97141
MFSD5	22.9369
POLR3F	4.89227
CSDA	145.296
SAMD4B	10.5873
GOLGA1	4.72066
CORO1B	139.831
GOLGA8B	3.56129
RAD18	3.41453
VASH1	2.49913
NFATC1	2.82528
CHMP4A	38.5258
PSMB2	31.6142
SMCR7L	9.69782
SKA3	12.54
SYAP1	23.2192
NEK3	7.73026
ITCH	4.66395
COPB1	22.9137
COA4	115.602
PSMC2	32.2836
UBE2A	29.6888
CHMP6	12.5662
C14orf80	17.4632
PPCS	41.5908
MARCH5	10.7139
ARIH1	9.46277
MIDN	10.5305
SATB1	3.65939
STXBP5	0.530434
PRSS53	3.78593
SNORA48	9.30144
OAF	50.3591
SLC15A4	9.46769
ANXA7	25.9396
RNF144A-AS1	0.0186356
FDX1	8.10833
AURKA	28.3038
TRIM32	8.81805
EML6	0.439061
ECT2	11.2912
MCM5	32.3034
DHX30	36.5186
SDC1	24.2784
SMUG1	38.4113
FAM221A	7.06823
YY1	18.121
FAM192A	17.0389
PRUNE	5.58279
UBE2R2	16.1901
KIAA1024	0.246993
CACNB4	0.514922
SMARCE1	34.2552
SMA4	0.530399
ALDH1L2	0.00500077
ZNF252P	4.16632
ZNF513	10.6226
SMARCAD1	2.58016
GSG1L	0.021114
GNPNAT1	21.1869
INPP5K	15.2955
AKT1S1	51.4915

SMU1	9.96316
DGCR5	0.135615
INPP1	11.4231
CATSPER2P1	0.405107
UBE2D3	123.17
MRPS31	9.9477
MFSD4	0.0357638
EIF3I	246.323
SCAF8	6.74437
RHOV	4.73071
BET1L	22.0146
RNF169	1.22239
SBNO1	3.53886
CCDC127	13.6647
CEP97	0.478159
PEA15	117.344
SREBF1	21.9035
MSANTD2	1.66704
NHP2L1	152.956
FAM101A,ZNF664,ZNF664-FAM1	18.7473
SDE2	4.81409
FTH1	609.113
MST4	11.1021
KIAA1217	2.07874
KAT6B	1.02184
GPATCH2L	1.45689
FRAT2	14.8913
TBCK	1.36196
SNX14	12.4991
NUP37	36.3791
HSPE1,HSPE1-MOB4,MOB4	382.01
PCNP	42.5079
RINL	0.939945
TALDO1	145.78
ZNF329	2.92353
DECR1	124.921
NOP10	544.528
ENTPD1	1.16984
ITSN1	1.71504
SC5DL	2.51519
GLYCTK	9.17144
LOC441454	0.327277
ZNF34	1.41419
NEU4	0
ITFG3	24.7801
MAPK12	60.4446
BSN	0.0599768
ACTR5	5.23856
ALDH4A1	13.9981
FBXO21	4.35695
PSD	1.1037
USP7	16.522
TMEM117	0.782033
TRIM37	4.2762
RANBP10	5.37774
AAK1	0.987953
BSCL2,HNRNPUL2	26.1419
RPL5	2495.5
CPNE2	28.7367
SHOC2	5.10595
ARRDC2	16.0583
LRG1	0
EFNA1	21.9377
RNPEP	34.769
ZCCHC17	13.4674
DUSP2	21.0678
RPL35A	4479.95
DTWD1	7.84454
CLPTM1L	46.6946
SERPINB9	13.8534
LOC100134868	0.298888
EMC8	30.2498
ARL1	14.5025
GRSF1	26.0758
NSUN6	4.17723
RAP1GDS1	11.0473
TPR	3.2524
WDR77	17.2277
ZDHHC3	2.81573

LOC643837	2.00385
NAV2	5.64909
HSD11B1L	0.793444
RTF1	13.1741
CUX2	0
AGAP6	4.04402
GIGYF1	21.4602
BTRC	2.85194
LOC100131067	1.39295
RPL23	5081.13
GIGYF2	5.70819
TMEM164	2.11374
INPP4A	2.32323
ACRBP	0.143908
KRT86	0.111824
PHF16	2.72454
SPAST	1.98728
RNFT1	7.54493
KLHL20	2.06828
CTNNA1	55.0844
SCAMP1	6.14229
ELOVL1	88.7776
CCND2	23.7136
C1D	21.181
BCAT2	93.7283
TMEM101	41.1286
DFFB	3.57996
VWA5B2	2.91153
SNX13	2.75654
SRPRB	23.0936
FBRSL1	20.8829
B3GALNT2	6.44215
ANO8	2.10795
PSMB5	251.686
ZNF35	1.91985
LNX2	1.80858
GRAMD4	9.54073
DDN	5.25355
SREK1	3.23071
SHROOM1	8.92651
OAT	54.0901
ZNF33A	2.96621
EMC1	5.38528
ELP2	29.8769
LOC254100	0.704252
NPM3	177.219
ZNF791	1.12685
ZNF10	2.04241
C11orf91	1.93439
PTGES3	176.4
FBXO31	13.9964
RPS6KA4	38.1031
RPF2	52.2478
C1orf198	8.6229
TMBIM1	68.2424
ARHGAP1	19.1453
IL17RA	3.70696
NR6A1	1.0101
PPM1G	120.219
TIGD5	30.492
NDFIP1	27.5222
ATP13A1	22.883
LCOR	1.35931
KCTD2	7.02584
HERPUD2	6.66243
LOC100131096	0.977311
LOC148413	9.37088
C3orf35	0.182919
RWDD3,TMEM56,TMEM56-RWD	11.4941
RRM1	27.9166
PLEKHA8	2.79086
SMCR7	20.0113
RAP1A	20.9499
SPHK2	9.96777
LYRM4	23.079
VPS45	6.17022
GSK3A	50.4643
RBFOX2	16.3905
MKNK1	8.41073

CDCA2	1.98278
YIPF6	4.99692
FOPNL	14.2354
HPRT1	73.4529
RPL4	3436.28
KIAA1841	0.275645
GPFR	0.119277
LRRC59	41.5153
SLC12A8	4.94778
PPP1R8	21.2145
SOD1	358.422
PRDX6	275.124
RANBP6	4.60851
MRPL2	42.8393
AKAP2,PALM2,PALM2-AKAP2	6.42641
BAIAP2L2	0.15376
INPP5E	20.6147
KIF1B	3.92212
YBX2	0.0444295
CDC6	6.94982
SLC12A9	24.6733
POLRMT	42.11
RHNO1	8.93284
SLC37A3	10.0752
SLC20A2	5.89233
ZDHHC2	7.4111
TCEB3	1.94695
TBC1D16	4.54452
GGACT	1.45009
CS	65.5149
ICA1	3.75063
FAM111B	0.553831
LACTB	7.16666
PSMA2	98.5745
SON	12.9853
SOLH	30.067
PKDCC	8.01301
TSR3	111.187
SGSH	16.7122
PSMC1	79.5519
MRPS18B	86.5158
CBX7	9.90373
LRRC23	6.43234
FHOD1	8.4241
PDP2	2.4914
TSTD2	5.47098
RRNAD1	14.6366
PRKAB1	9.02006
UBE4A	5.96388
ANKRD40	10.4733
HSF2	7.0213
PPP2CA	46.0296
B3GNT5	2.69651
DECR2	19.4771
QTRT1	51.6455
RPS4X	3508.51
MAT2B	19.8749
EMC2	37.2652
CMTM8	15.7091
NDUFB10	128.515
BCORL1	2.72912
SLC27A2	14.3142
NGRN	62.3698
KLHL42	3.38423
HCN2	0.032089
BCAM	30.8427
NDUFA7	177.249
CEP95	6.83589
SBDSP1	14.2656
DCAF16	9.65067
FBRS	24.6408
UBA2	22.2011
ARHGAP22	31.8391
ITPA	86.3413
SSSCA1	75.3642
STUB1	59.2854
LOC100133445	1.65435
LOC202181	0.615087
CTBP1	42.2243

BIN3	18.2534
KDM1A	54.291
BTK	0
LINC00152	571.552
CUL9	2.09396
RPS3	3123.08
EIF2A	22.6356
CCDC149	1.57876
FAM193A	4.74407
LAT	0.832031
ZNF502	1.38343
ZSWIM5	0.18107
TTC1	44.7356
SCLT1	2.23157
PROS1	11.1618
PMM2	21.0222
NUP43	10.9143
SLC46A1	5.84876
NDUFB8	270.675
MFSD2A	11.4475
ZNF286A	2.33164
HNRNPK	194.685
UBE2J1	10.6974
FBXO5	8.13092
NUFIP1	2.30629
PPM1L	0.417982
PPP1R3D	1.75981
TLE3	8.41501
PITX2	8.18428
CMC1	48.0472
CSRNP1	10.85
LOC100130000	0.0717381
MFN2	10.0929
GAS5	1559.01
ATP1B1	5.70881
TRIP11	0.473403
ZFP36L2	6.93253
KDSR	20.7854
OCEL1	25.3511
LAMTOR2	95.2145
PTDSS2	48.3829
HMG1	216.114
TTC3	2.72442
BCL11B	0.14699
BLOC1S2	15.2243
SPTLC2	6.49647
PYURF	67.5294
SUZ12	10.4129
LOC100130705	0.985107
ZNRD1	102.953
BYSL	44.0505
MMEL1	2.87858
E2F7	3.17658
CYSTM1	94.4857
IL37	0.107913
TCERG1	9.61874
SNF8	89.7343
FAM177A1	4.93989
PDHA1	28.708
GRWD1	34.3843
S1PR2	5.87502
REPS1	17.2824
SMARCC1	18.9643
TBC1D2B	3.59345
CD44	81.3557
STAT6	33.3689
SLC9A1	8.87977
LOC255512	2.9209
RNF170	6.14558
PP7080	13.4289
METTL21A	9.03631
EPS15	6.09498
NKD1	1.26257
ZNF574	10.4206
ZNF394	13.1791
SMARCA5	9.15615
SNX9	12.0168
POLD3	1.4943
E2F5	10.0634

CHCHD2	821.281
YTHDF1	18.5408
ZNF512	4.46512
EEF1B2	2322.1
LRRC39	0.381945
TMEM241	2.82353
SDCCAG3	109.473
RBM17	37.1641
MED14	4.76429
LOC100144603	1.81999
SNHG15	155.295
AK1	48.436
CSGALNACT1	0.0916357
R3HDM2	8.84859
ZNF618	2.08994
FKBP3	34.4564
SLC13A3,TP53RK	6.47879
RPSA	4390.23
FAM43A	2.68527
NPR2	2.29557
PAIP2	45.7398
MSI1	18.9231
TRAPPC11	5.29422
PDPK1	2.62276
DCP1B	10.6767
NIT2	69.7045
GAA	56.2666
KIAA1967	38.0425
SMIM15	14.0572
TRIM11	22.584
ACSS2	6.1428
TM2D1	27.6342
HM13	128.565
ZNF404	1.79362
GNB1	102.677
ANKRD16	12.4163
MGAT1	33.2993
NCAPH	5.07006
TTC38	16.8234
UNKL	4.65267
PORCN	16.161
ACOT11	0.149703
C1GALT1C1	8.00419
FASTKD5,UBOX5	11.1974
ENKD1	2.55233
MRPL13	106.439
NXT2	1.87866
MAK16	8.83155
LILRB3	0.0179189
TSPYL2	10.8925
AAR2	19.0528
COX7A1	0
PANK2	15.1534
DYNC1I2	13.2876
FTSJ1	32.1279
RINT1	10.0874
TFCP2	2.73859
CDC5L	5.45268
CANT1	23.8402
MAP3K14-AS1	0.873312
NQO1	19.6606
AGGF1	4.04595
MRPL39	47.56
TMEM115	39.6259
DDI2,RSC1A1	1.93135
COL18A1	2.3915
NCOA4	57.8572
MPHOSPH9	1.42031
ARL17A	0.311621
GPN2	30.3329
TBC1D22A	14.5845
GLI4	30.9337
PTGES2	181.886
ATPAF1	26.2348
GRPEL1	66.3324
ANKFY1	3.79468
S100A16	857.561
SPRED3	1.79589
PTGR1	75.4968

IFRD1	21.6251
PDE4C	0.160705
GJD3	3.08701
TDRD3	5.30739
MAFK	9.32698
MFNG	0.0895539
FKBP1A,SDCBP2	129.828
RCBTB2	0.21024
TIMM17A	40.5609
PLAGL2	4.3037
C8orf47	7.9627
FNTA	69.2247
TOMM5	116.481
DPY19L1	2.90042
C19orf12	4.69207
BRF1	16.9831
WDR37	5.03153
ATE1	1.13535
NUB1	19.4377
MGRN1	17.6371
C21orf15	0.436357
ANKRD46	4.14032
WDR82	15.8299
INTS4	7.84388
ANXA2P2	3.55159
GAREM	0.452956
RRP36	25.2189
VPS37A	3.92827
APEX1	219.674
NMT1	20.7249
STK10	7.52445
TGFB1	101.817
MRPL11	41.1315
FUCA1	7.13695
LZTR1	12.4238
STRADA	13.3211
LRFN4	48.0263
VAMP4	2.90458
SEC14L2	8.3457
SRA1	33.4693
GPS2	40.123
PSTK	2.39551
DHX15	36.6282
MRPL12	158.601
STXBP3	6.94796
LOC100287042	0.193401
TRIM14	11.5993
DEPDC5	1.41475
G6PD	22.8208
ZFYVE27	15.1326
BZW1	66.6635
CAPZA1	77.0357
KIF13A	1.52591
ZNF619	0.514639
SLC35D1	1.15745
NDUFAF7	8.45198
COX11	21.4038
RSPH3	1.81748
GYG1	35.6442
MT1IP	0
IRGQ	2.47581
ENAH	4.00568
CDC42BPB	10.3721
AGTRAP	82.1961
INVS	4.86657
SYPL1	45.041
CCDC132	2.50477
TMC7	1.006
PLEKHG5,TNFRSF25	15.632
CLDN12	13.9357
SEL1L3	9.87561
GFER	35.2307
PPP1R32	0.882958
DHX16	18.7171
MRPL34	88.8556
SRP19	19.5578
CD27-AS1	3.8133
TM2D2	8.52219
PITRM1-AS1	0.340822

PAPSS1	14.4906
LRRC29	1.47381
CNOT6	5.22193
METTL25	0.638698
KANSL1	6.55513
RAB4A,SPHAR	9.7238
PITPNB	20.161
HIGD1A	15.0661
GPT2	23.5849
UACA	0.775805
HES6	158.268
ACVR1C	0.0134086
SRRT	45.2759
WBSCR27	14.6371
LOC100132832	0.623589
SS18	14.4934
PRDM16	1.5553
CYP2E1	1.52558
GAS2L3	0.358289
KIAA1586	2.53112
KNSTRN	26.1661
LMBR1	8.41742
RPA1	14.3002
C11orf48	56.0361
PTMS	218.721
FAM84B	6.63014
ZCCHC4	2.42403
TRMT44	4.44526
TRIM4	10.1603
FADS3	78.8261
BLOC1S4	25.988
AP3B1	6.00008
RQCD1	17.7724
SUMF1	8.19581
MCM3AP	8.21357
SAP18	44.2464
SMS	203.473
EXD3	2.35062
ANKRD52	5.38668
SLIRP	346.023
ADCY3	17.1997
ATP1A1	78.4896
TMEM242	3.35088
FO XK2	20.9965
TMEM18	17.5135
CCDC82	2.0309
TMEM14B	84.8262
NCOA7	3.94911
ZNF518A	1.01454
GIPC1	150.313
OTUD5	23.9904
SAE1	67.1923
GATA6	2.70403
MX1	11.1286
BAMBI	5.19792
PSMD4	181.605
VWA1	4.50973
KIAA0513	0.653592
ZNF268	1.69626
CHD7	1.73578
SUB1	28.9228
RNF19B	12.9602
ZNF273	1.07605
PRDM2	2.39008
IFNAR2	7.8827
POLR3A	5.16901
SMTN	86.9985
KRR1	16.1258
ACN9	11.7942
KIAA0355	1.29155
CD9	303.931
PTPLA	4.79744
OSR2	7.70618
PKD1	4.32687
SLC26A4	0.040732
NHP2	240.332
HIPK2	1.66531
PMPCB	29.5539
SAMM50	21.1968

MMP11	7.26169
DGUOK	66.4991
UPF2	5.53543
DIAPH2	4.78016
LOX	1.00994
CCDC73	4.74758
FAM227B	0.615762
ARL6IP1	72.7714
IQCG	9.95909
CDKN1A	80.7317
GEMIN4	17.8195
GPSM1	52.6048
TPST1	2.48937
NEK7	3.44159
KATNA1	13.2032
PAXBP1	11.2719
CDC16	28.41
SLC25A46	6.30576
AHSA1	162.694
POLG2	6.54722
CACNG7	0.467941
SMIM12	5.61204
NPEPPS	15.9387
HNRPLL	8.00206
UHRF1BP1	3.56084
ZFP30	1.06201
DHX58	0.0456292
ITGB1	347.596
PYGO2	10.7662
C17orf103	4.49997
CCNH	30.5083
ZNF644	6.74272
FOSL1	423.866
MGC27345	1.74856
USO1	9.44957
POMGNT1	29.5149
ZNF575	0.779541
NSUN5P2	7.22641
FAM131B	4.99407
PQLC3	8.44038
TM7SF2,VPS51	69.2279
SERBP1	40.2421
ZNF593	166.533
PDAP1	98.7726
HSD11B2	8.45483
POLDIP2	57.9241
KIAA1279	6.5123
PER3	0.241573
RPS23	521.669
MEAF6	11.3204
WBSR16	33.4518
SLC25A5	557.317
MSRB3	0.414235
C19orf43	289.059
INTS7	3.94331
PIP4K2C	10.1752
PRR22	9.98689
GINS3	5.20492
LRRC8A	12.5959
POLR2D	11.5672
MMP24	4.61729
ZFYVE26	1.57904
HNRNPD	124.666
TTC9B	1.42361
RANGAP1	110.568
AIDA	20.5421
DOHH	18.9368
TAF1D	39.0668
IL13RA1	7.05523
ZSWIM8	4.84905
C2orf42	2.72141
PPP4R2	3.9266
PPT1	43.9719
WDR11	3.87086
USP3	9.58825
ARHGAP27	4.76111
NAGS	6.61006
PPWD1	9.56323
ZNF19	1.08061

SPATS2L	8.7618
C11orf58	27.0564
CCDC71	14.3668
GOLGA6L9	0.21592
FBXO3	7.36076
NYAP1	2.28663
STK3	6.05538
LINC00667	3.28864
ALMS1P	0.0522513
AKD1	0.603879
DNAJB6	73.0181
SIN3B	9.35548
CENPL	4.53757
G3BP2	14.3943
TMEM189, TMEM189-UBE2V1, UE	86.7324
UCK1	47.1703
GPR19	0.217705
FILIP1L	3.50538
MRPL32	69.9524
ZFAND1	50.2738
RIC8A	74.3978
ROGDI	8.45421
B3GALNT1	6.8476
TERF1	12.6648
GRHPR	127.205
TM9SF2	15.2265
NAV1	1.37438
CERS6-AS1	5.64837
HDLBP	32.0342
TMPO	25.1791
HECTD3	10.3349
AZIN1	31.9466
CD46	8.16893
MANEA	1.30479
ERI1	6.36955
ZFYVE9	2.67471
NAIP	0.509145
NT5C3B	61.1961
SLC25A32	18.2394
ANP32A	48.1433
WRNIP1	38.1482
ANXA4	21.195
TMEM161B	4.70992
MRRF	49.3094
AP5Z1	11.3353
ZNF486	1.89247
ADCY9	1.37846
LOC100630918	1.81789
WDR70	10.3329
ZNF443	1.60808
TEX22	0.344578
CDK5RAP3	29.4105
NSMAF	19.3561
ZNF416	3.5583
TFDP2	3.27882
PRPS1	26.2609
RNF115	8.30769
MCF2L2	0.132729
ACP5	0.162307
FH	51.4926
LINC00339	11.0595
STIP1	143.501
FAM189B	62.4593
RAB7L1	8.55881
GUSBP4	0.909906
H6PD	3.28329
HARBI1	1.69455
TIMM22	24.0823
ERP29	111.821
LARP4B	10.1972
EVA1C	9.18577
SUCLA2	7.29542
LOC92249	5.01995
WDR13	36.5334
SLC35C2	32.102
PRAME	13.8994
SHF	5.46973
CEP104	3.23903
LTA4H	94.2678

CLASP2	2.50261
SEPSECS	0.971447
PET112	14.4667
SENP5	4.32053
CAND1	16.4611
RANBP1	148.288
C12orf10	48.6943
AQR	4.79576
CLP1	11.2771
GOLT1B	8.98433
TRIM41	9.78877
SMIM13	2.82429
CDX2	12.286
CHUK	3.32446
PRR14L	1.77342
FLNA	103.59
EIF3G	352.2
TAK2	11.2839
ZNF555	0.489287
ZBTB7A	8.7892
PTPN7	28.8741
LOC100507564	0.232301
TIMM21	16.2133
ZSCAN22	1.43796
KTN1	10.1556
CALM2	288.234
ZMIZ2	12.5109
EFHA1	12.3592
TFE3	30.619
ZBTB45	12.7433
GEMIN8	8.72053
FANCD2	2.82896
ZNF767	2.82744
SF1	85.1263
TCEAL4	48.4519
TERF2	11.9428
TACC2	8.91027
EEF1D	1489.08
TBC1D8	1.80021
HSPA12A	1.46087
KANSL2	11.1832
ENOX2	1.5331
SYNGAP1	2.6704
GRAMD1A	90.291
RPL12	10920.1
CAMLG	61.8599
DGKH	0.402395
ASCC3	3.35477
ZBTB33	4.51436
ERICH1	9.33384
BCL9L	5.93086
NAA30	3.88295
PNPLA2	67.2834
AFG3L2	35.9473
LOC282997	2.30118
B3GALT6	15.2529
EXOSC6	27.5482
FBXO36	0.567289
IDH3B	47.8253
CETN3	20.2276
ACAT1	52.4054
PSMC5	94.2979
HMMR	2.10497
TRAPP13	5.5003
FKBP11	167.861
PIGF	22.015
MAP3K12	7.23555
SYNE4	0.127828
SMPD4	20.6578
DHODH	6.78063
LOC100127983	0.089452
OBSL1	12.4611
LRP8	3.03425
ZFX	1.97837
ITGA9	0
YRDC	27.539
H2AFY	73.3137
YIPF5	7.83792
PRKAR1B	22.1072

APBA3	13.0714
ATP5G1	169.44
FBXO2	2.55956
ARL2BP	32.3473
SPC25	13.9453
TRAPPC3	67.5867
LOC100506710	7.1225
RAB7A	107.353
CC2D2A	4.16063
CSNK1D	42.7515
DNPH1	200.538
RAB3IP	3.26118
TMEM185B	12.029
HIF1A	1.76131
WNK4	1.25646
HEATR1	6.72691
UBAP2L	23.638
DDX21	27.5263
BRD1	5.69779
FAM108B1	4.56314
VPS25	78.8575
YWHAH	66.2176
ATAD3C	0.205455
NAA10	146.841
MRTO4	47.8395
SMAD5	4.24546
LRRFIP1	12.5726
DNAJC8	84.2291
FBXO22-AS1	57.0173
KRBOX4	4.61598
PDCL	4.15729
INTU	0.60115
SLC35F2	23.225
RPL7	7522.96
PLD6	14.3942
STAMPB	6.12671
UTP18	41.9664
DCAKD	18.727
POLQ	0.554449
DUSP11	17.8928
GAS5-AS1	0.902488
KLHL17	15.8017
MORC2	4.67148
ZNF333	1.06115
OGFR	39.3854
RMI1	2.15036
ASTE1	2.06566
KHDRBS1	100.012
ATOX1	125.601
ZNF24	5.93493
MT1E	1831.2
ATAD2B	0.409543
BPNT1	10.8602
IMMP1L	5.28497
CLPX	10.8532
ELOF1	112.739
ZNF681	0.457198
PRMT1	306.835
AZI1	10.162
ZBTB9	6.40997
NFKB2	48.0161
SSBP4	64.905
PAIP1	36.2
NACA	1289.52
MED23	1.88047
EBAG9	17.7535
INTS8	15.1668
MTRNR2L3	0.089284
DOLK	18.2463
ERCC6L	1.90722
MFAP3	2.97568
ARL14EP	5.796
MEN1	33.6543
NPTN	21.8357
USP11	11.5115
FAM161A	1.03421
DYRK4	12.2746
ATAD2	10.9357
PSMA4	103.028

PRRT3	1.19453
MIB1	2.28821
BCAP31	247.254
AMD1	20.5909
GPAA1	129.702
ARSB	0.708654
PARG	4.14753
ANKRD54	13.8989
NPLOC4	20.8
CPPED1	1.32266
OXCT1	20.2607
WDR85	39.1572
CYP2U1	1.96004
SPTBN2	13.1678
SHANK2	0.669877
NAPB	1.92534
MCM6	14.2194
TMCO6	10.5832
SLK	3.96885
LOC440354,LOC595101	2.0024
FARS2	7.6732
TRAPPC8	2.09016
TM9SF3	25.7519
LBR	11.7843
LTBP3	8.66334
SLC39A6	21.362
DEF6	21.9851
GLOD4	35.5007
DCXR	255.78
GON4L	1.94461
PHF20L1	3.3828
PGAM5	44.4294
CPSF2	6.69096
CAPN8	0.0247813
SGTB	2.87727
FBXO22	7.3274
PHB	167.956
SURF6	63.9437
PTDSS1	101.462
PDLIM5	3.14879
ZNF233	0.327517
SPATA5	0.746747
NELFE	83.8237
IQCH	1.00192
ADPRM	7.90025
ZNF234	1.13171
TEX261	28.2475
TTC8	5.38266
ZSCAN21	1.25086
CUEDC2	94.4006
TTPA	0.36407
RBM10	40.2182
YLPM1	2.99998
GAL	145.452
SKP1	109.273
SOX13	4.01007
FAM160B2	18.8878
GRPEL2	11.0343
CSNK1G3	6.31079
INTS5	12.707
CNNM1	0
RCC1	112.862
LUZP1	3.44043
ABHD11	15.8092
DDA1	11.6706
PARP1	24.9109
YDJC	131.83
BECN1	20.7767
COPZ1	100.835
LOC401397	82.6971
FAM204A	11.3938
NEURL1B	0.379224
HIST1H4J	1.43555
CUL2	8.33519
MRPS35	37.5779
SPRED1	3.81865
MOSPD1	3.49958
XPO5	19.3888
ISG15	120.69

SUMO1	65.5804
CSAD	2.06453
SH3RF1	2.22446
MAP4K5	8.37872
RAB11FIP1	3.94434
PTPN14	1.8426
AHCYL1	23.8358
EP300	1.19297
SLCO1B3	9.48655
TTC39A	5.37575
NUFIP2	4.9551
ANAPC5	46.3855
ASB1	32.8447
SNORA53	1.84629
ECD	12.9182
ACAP3	6.08165
SNX4	4.97873
RCN3	2.87287
RHEBL1	10.9626
RASGRP2	0.831608
NPDC1	280.211
DGCR14	4.73977
MLH3	1.35975
ZNF343	3.2288
NLN	3.22161
MCIN	1.96067
TMEM106B	3.43853
ZNF85	1.33305
SFXN5	0.63494
ANXA5	266.834
ZNF146	15.8471
THBS4	0.238536
TMEM237	3.68971
PLEKHB2	38.3995
BLZF1	1.1262
ZNF711	0.874533
SLU7	9.30155
STOX1	3.20784
ZNF33B	3.0542
TSIX	0.00954083
ALKBH1	4.88876
DZIP1L	2.24485
C21orf59	35.2915
PRKAA1	5.53224
TXN	875.685
TBC1D23	9.95961
ZBTB39	1.67998
GSPT1	22.4227
EXOSC3	20.9693
METTL1	8.64688
ZNF491	0.287886
NOMO2	0.787947
IST1	24.3158
CXCL3	0.41027
SLC16A5	6.56527
PLAUR	113.405
LOC401320	0.655478
TTF1	8.08374
SNHG16	141.942
FAM175B	4.81355
LTV1	14.9695
MGAT2	17.0984
EXOG	3.56278
ABLIM3	0.0218259
SLC12A2	1.75121
LOC493754	4.23099
CCS	36.3675
BRCC3	3.03547
NUDT16	6.78218
KDM4A	7.22343
REPIN1	110.505
ZNF697	1.88236
HSPBP1	42.3314
CHMP1B	17.7331
HSCB	25.0708
RUFY1	12.2729
GNB2L1	3600.05
CHAC1	38.3496
CCDC88A	0.86386

ZNF44	1.9646
MNS1	0.335303
ZNF107	0.61614
CCDC104	50.959
NLGN3	0.811865
VAPA	16.2183
SIAH1	12.0137
PEX3	7.61809
ZNF709	0.950278
SRRM3	13.511
PLEKHA3	6.17525
AIMP1	21.7564
TRIM47	14.894
TGM1	0.248552
ADSS	10.8028
LRIG3	0.755631
DAGLB	20.2806
PALD1	10.1249
DNAJC12	36.6884
PARVB	38.7465
TMEM187	8.40844
TAMM41	7.16467
GSTCD	1.85099
PHLDB2,PLCXD2	0.402381
LMNB2	43.4975
LINC00662	0.700859
UFM1	14.7866
NXF1	26.0861
OPA1	9.06817
GALNT11	13.2727
NDUFAB1	185.4
TMEM66	53.0535
LIX1L	8.6004
FAM225A	0.920979
STIM2	0.87564
MCFD2	22.7351
DNASE1L2	2.25552
XRCC2	0.84202
A1CF	0.0163521
SOCS2-AS1	0.805789
TRMT2B	3.24282
MRPS27	41.4996
USP12	6.77489
RAB10	28.1131
PHF11	10.1751
ESCO2	2.36502
ALMS1	0.575288
GBA	14.1601
RAD50	2.75207
ALDH9A1	35.8354
LOC389641	5.51539
XRCC4	6.55152
ZNF16	13.2094
C2CD4C	9.336
SNORA10	48.2333
CIAO1	20.9409
NEURL4	3.35188
TMEM178B	0
RTCA	17.6531
ANKRD11	14.9013
GMEB1	2.32433
DSCC1	5.44356
TIMM50	57.3697
GTPBP10	3.9853
TDRKH	2.2218
SLC35C1	10.1907
CKAP4	21.8405
COPA	21.7265
BAZ2B	0.832549
CTPS2	3.96824
ZCCHC11	1.85828
MRPS18C	18.383
WNK1	3.60072
ERGIC2	16.351
TBK1	7.04657
BAX	193.467
ACTR10	14.3684
GPC2	1.72788
ALS2	3.81113

S100A13	480.711
SPDYE3	0.274411
PHKA1	5.66587
ABCC4	3.77971
DZIP3	0.983469
ESD	64.666
VGf	27.0091
CCDC64	1.6262
MICAL1	18.1233
GTF2F1	63.7537
C12orf29	4.82466
DOCK5	0.660682
POFUT1	7.44269
RPLP0	7733.93
PSENNEN	89.4447
UROD	148.959
LENG8	9.00218
STOML2	321.467
C2CD2L	7.71535
YARS2	37.1651
FAM161B	0.352858
LOC116437	0
ZNF598	47.2607
RBM19	13.7107
ASB7	2.30198
ITPKB	2.08035
TRUB1	4.27129
TIA1	6.67464
HDAC7	18.7806
IRF2BP1	8.67936
POLI	2.9439
KCTD17	22.0695
SLC9A7	4.9101
YTHDF3	8.13802
C11orf96	0
FRG1	32.9166
ALG2	17.1059
RCOR1	5.68456
GATAD1	16.1608
PARK7	326.198
GLUD1	39.1581
LRRC49	1.39018
THUMP2	8.59829
CALCOCO2	14.3487
NLK	3.1565
SHISA9	0.810245
CEP68	2.43451
MAP3K5	0.674464
SEC23B	11.6303
CCT7	346.072
MRPL20	162.355
ZFAND3	24.7372
ATP5C1	247.816
ADM5	1.73786
OBFC1	2.35776
ZW10	4.70597
ST13	95.3951
TBX6	1.09215
PAAF1	16.0638
PPP3R1	13.3815
LSM5	22.1503
CA5BP1	13.5651
NEIL1	9.65587
MED29	9.51746
TRANK1	0.0419303
TRIM36	2.38187
USP33	7.14954
NDUFS2	55.4707
SGK1	1.30607
COG5	12.7065
PGAP2	21.8365
LOC254128	1.94878
WDFY1	4.39592
SIK3	3.41965
PARP14	2.75011
CPNE7	38.682
PAPLN	0.0731876
FKBP15	29.9663
VIPR1	0.711623

TMEM168	4.03204
C8orf40	52.4075
PRPF38B	10.6156
SSBP1	285.155
SUZ12P1	4.14661
EEF2K	5.37476
FBXW10	0.0471258
NT5C1B,NT5C1B-RDH14,RDH14	11.2088
PAX8	1.33839
CBX5	4.46659
TTF2	4.83079
POLR2B	24.036
PMVK	25.6554
TJAP1	17.971
TMOD3	4.43711
TRABD	58.4558
LOC642846	3.03696
CRY1	10.9238
CCDC58	48.8865
TECPR1	4.8749
CDPF1	6.10576
KLHDC4	19.6697
FBXW2	8.67852
WDR7	0.661397
MED12	3.65614
TBCA	350.171
ZSCAN29	3.82422
OTX1	1.88959
UBE3A	9.79125
GSKIP	5.09424
AK3	8.27972
DLC1	23.2328
PNMA1	23.1262
PSMG3	62.4612
COPSS	72.1677
RUFY2	1.76995
N4BP2L2	13.573
MGC45800	0.737552
EIF2S1	20.7466
SLC6A9	3.97248
TNNC1	0.234293
MORF4L2	73.5023
TYRO3P	0.132926
PPAPDC2	4.29938
RCN2	26.1459
PRR11	7.9305
RAD51AP1	4.77293
AGPAT5	10.3418
PEX10	22.0495
PPA2	44.2196
PDPR	1.49049
MTCH2	43.64
RHBDD2	40.6779
ZNF701	0.142765
PSMD10	27.4088
SYBU	7.06452
SACM1L	5.65646
LOC283663	0.0951182
ZNF200	2.7518
CD5	0
TTI1	5.64038
SPTAN1	34.5402
NFS1	9.36531
GNL3	68.8307
NSMF	98.9349
CD97	28.2813
RBBP5	3.11038
SLC25A43	8.79769
SPECC1	7.74738
VPS4A	61.7642
SDAD1	10.0853
MZT1	17.3164
TRNAU1AP	14.8833
MROH7,TTC4	14.6843
GOPC	4.83441
ADAP1	20.8345
SUPV3L1	21.1028
MUC12	0.278301
SSRP1	109.845

HKR1	7.87353
TOR1AIP1	15.296
PRKAR1A	21.2956
LMBRD2	0.264419
FAM105A	0.675941
ANKRD18A	0.311592
ATP6V0D1	65.5039
NFIC	9.50177
RAB11A	22.2514
ITPK1	33.5419
PHB2	503.072
EIF4B	173.947
PHF20	3.36311
PHRF1	9.20119
P2RX4	14.1082
RHOQ	16.9992
RAE1	29.3748
ADAM22	0.498362
RPSAP58	52.8576
YTHDF2	31.4269
C21orf91	1.39847
RIPK2	46.5055
ATG2B	1.10494
COX7A2L	126.602
VPS26A	22.96
C17orf80	3.70226
LIMD1	5.18341
HYOU1	24.3045
GP6	0.0515328
OXA1L	176.722
STRAP	84.6876
AATF	50.9694
FHL3	43.5054
L3MBTL2	9.802
ZNF581	192.728
AHCTF1	2.24711
YWHAB	51.0343
D2HGDH	9.53071
HNRNPH3	38.2519
ORC6	14.0086
SNORD89	26.1397
HSPBAP1	7.32283
CAB39	9.86033
SERAC1	3.27228
PPP1R10	13.4002
PINX1	15.6717
MSTO2P	0.230925
CPD	4.01863
KIAA0319	0.0363467
LOC400684	1.81957
PROSER1	6.93289
ZNF346	3.96132
SETD1B	2.71259
WDR59	12.5223
DDX60	0.255078
EEF1A1	6363.13
CACTIN	14.0146
RABEPK	45.1616
ZNF883	7.82905
NDE1	6.40042
BST1	0.471402
ZNF597	0.882292
WDR74	68.7217
HSPA14	17.9441
NUP188	30.6958
SPRED2	10.2079
STMN3	18.2515
SIKE1	4.80816
CUEDC1	6.7694
ZNF227	4.07779
RNF219	3.68166
DSP	2.78599
TRMT12	4.91327
KIAA0317	5.01267
ACOX1	4.03961
LOC151171	0.0241546
CFLAR	4.13366
ZNF789	4.04817
GOSR2	7.32829

UBL4A	28.1045
SCARNA20	0
AAMP	143.4
ODF2	22.3924
IPPK	7.25329
PKP4	10.3755
SAMD5	0.569823
EFCAB10	0.697225
KLF13	7.19593
CCDC71L	2.6185
INHA	0.279758
ACLY	34.5744
DLG1	3.51325
MAP2K2	187.256
ZNF876P	0.0968542
C9orf173	0.258203
CNBP	127.216
DHDDS	6.9745
CECR7	1.02151
C10orf88	1.19261
MAG1	0.737449
GCFC2	13.1557
CORO1A	16.4412
FLJ43663	5.00386
MPZL1	14.3191
SPATA13	1.53487
TTL6	0.0343372
PHKA2-AS1	0.0476061
RPL3	4461.64
PPP1R9A	1.55609
CNOT11	24.7904
CRBN	6.60125
SAAL1	21.9192
RNF126	81.5994
TOLLIP	27.7225
AP1AR	8.01456
RBBP9	2.89249
HSPA6	0.149601
ZFYVE16	1.5101
CAPN2	153.143
HERC2P9	3.4634
GEN1	1.79608
RPL10A	3578
TTC23	3.44515
HLF	0.0311668
TFB1M	6.85267
CYB5D2	14.9991
MAP3K7	6.28635
CDC42EP2	24.3192
RABGAP1	4.8562
HNRNPC	170.643
TOMM70A	20.0249
TMEM203	67.4419
DDX27	12.5775
UCK2	26.036
C16orf55	6.89941
TRMT1L	3.51973
GTF3C3	12.4703
CENPH	24.9513
TMEM9B	14.2271
TMEM33	9.19956
PUS7L	2.45464
IRS2	4.47679
CSNK1A1P1	0
BAIAP2-AS1	2.94923
USMG5	448.214
YWHAQ	143.427
SLC36A1	1.21574
RAB3GAP1	8.99757
GFM2	11.7584
ATMIN	3.97209
TUFM	332.587
JTB	166.333
PLAC8L1	3.01835
C7orf29	15.5946
SEC16A	16.4876
VWA9	30.6424
POMZP3	9.07155
CEBPG	24.9663

ZHX2	1.9363
GBP2	0
ATP5D	425.713
RNF145	31.6609
CCND1	29.2594
TOMM40L	9.27603
SPRYD4	9.2254
NFYC	20.906
GOT2	81.2205
UBE2B	26.7004
CALB2	13.4059
WDR5	43.319
PRPF4B	3.08917
RPF1	20.7195
RABL6	138.831
FAM211B	9.49398
FLII	78.7939
GOSR1	5.65798
LOC253039	2.94121
CTNNB1	59.5457
MRPL3	58.167
AGXTL2	11.6277
ALG5	33.7389
ARSD	5.21901
ZDBF2	0.61386
TRNP1	16.5463
LOC100505876	11.2191
ZKSCAN7	0.51744
C4orf27	14.708
MATR3	40.4517
FAM219B	9.84361
DUSP14	36.6634
ADAM17	3.24467
C14orf119	27.298
SMARCD1	22.7836
LYPD6	0.94868
NAA38	4.38957
ADC	3.58313
ZNF765	1.1096
SRM	180.65
CXXC5	4.05272
SPATA5L1	11.8292
ALG10B	0.502131
LENG9	20.0973
MRPL55	69.2311
DNAJC2	24.1321
SEC22B	13.4411
ZC3H6	0.188887
MSH5,SAPCD1	9.24624
DEK	44.9771
FAM184B	0.108801
SLC25A39	380.956
ETS2	7.55834
EFHB	0.0253314
LOC100507266	0.178323
RPS9	4986.6
RNASEH2B	21.8756
SCCPDH	29.1335
LYSMD4	2.62935
POP7	145.718
GCSAM	0.0795402
SLC2A6	19.2145
YBX1	636.688
ADO	8.03509
CSDE1,NRAS	40.058
RUNX2	1.87335
AARS2	6.39842
KDM4C	3.10731
PPRC1	11.0841
FAN1	3.32371
TOM1L2	3.91457
FAM131A	20.1188
COPB2	23.1315
IFI30	49.6662
METTL2B	7.00149
SPATA6	0.668876
NKRF	5.14091
PRKCE	1.28981
FAM118B	7.04899

NDUFAF2	113.383
CCDC121	0.31461
CDK20	8.57803
PLEK2	45.0278
MRPS30	46.5934
CCDC86	48.9975
SLC7A1	18.6471
GJA3	0.710096
MKRN2	11.3962
PNCK	0.140571
CACYBP	46.0038
ACTR8	3.5015
KLC1	19.1255
SEC14L4	1.24187
BTG3	30.116
AKIRIN1	19.6786
NFAT5	3.51993
VPS35	16.729
RBM15B	13.4506
ADCK4	23.3404
LXN	9.85146
DNAJC10	6.33366
KLHDC10	4.46088
SNRPD1	77.071
LOC100862671	5.00777
CASZ1	2.32316
TOR1B	18.7091
SNORA61	35.0324
AP3S2,C15orf38,C15orf38-AP3S2	14.4384
MTM1	0.668419
PSMD6	89.0492
DHRS4	14.5851
GMPR2	43.901
ING5	3.07233
CENPV	62.2027
EXOC3	15.6599
UBA1	100.32
MIER3	1.72601
SLC9A2	0.246884
FKBP14	2.26817
IRAK4	4.16273
CPSF1	30.9525
PSMG2	86.9282
CRLF3	6.77842
NR1I3	1.41793
DDX18	15.5677
CSTF2T	4.99032
PEX11B	13.5518
LARGE	3.77185
JAM2	0.0652122
C7orf73	13.4676
COX15	9.67934
KIAA0947	2.92163
LINC00482	0.0675274
EIF4ENIF1	4.68362
MPP3	5.53045
LYN	10.8769
FMNL2	7.45675
THUMPD1	4.03778
CCZ1	9.6592
BAG1	17.5948
BRD7	28.271
ZFP106	3.72758
RNF31	10.8428
MSX2	1.79519
RAB13	91.5602
GTF2IRD1P1	10.4106
LETMD1	50.3927
GPR137B	10.8151
LOC100130357	0.247325
TBL2	19.7506
SF3B14	275.419
SEC24A	2.24788
DNAJC21	3.31384
TRUB2	72.0278
CDC14A	1.03916
ZNF761	2.94574
RBM38	37.0748
CDCA7	19.8909

DLST	45.4152
FASN	35.3146
ORC3	10.2023
EPHA2	86.1978
HOXC11	6.35783
PRR12	4.84289
ZSCAN25	2.6702
VSTM2L	0.0876344
IL6ST	2.56423
ANKS6	9.98264
ELMO2	4.78467
VPS18	13.9912
STK24	38.4909
ZNF708	0.837894
ZNF267	2.49692
TOMM22	91.5139
LEPREL4	23.6405
PAICS	105.474
ATP6V1H	40.1872
SPTSSA	12.4573
HIP1R	15.8488
MDM2	13.4718
ZNF777	16.8341
LDHB	872.418
PIK3CA	1.23307
RPL34	1195.31
ABCE1	20.7091
ATP5B	489.201
EIF4G3	3.53961
SCAF11	4.07563
TCTA	9.51533
C19orf40	1.93014
PKD1P1	15.676
HMGN4	51.1324
LOC653160	0.82493
LRRRC8E	16.658
CD2BP2	38.4876
TAF9	108.395
LRP2BP	0.354762
PTP4A2	48.8025
DDX3X	28.9345
LOC100506746	0.607314
PRDM1	0.173923
LYRM9	2.74649
FOXO1	1.28322
CUZD1,FAM24B	11.9308
FGFR10P2	8.35471
ZNF596	0.495251
PSMD2	320.732
SLC35B4	3.12618
SLC25A15	5.58995
KIAA0368	20.6253
CORO7,CORO7-PAM16,PAM16	185.136
WBSR22	115.617
TMEM198B	1.8751
SYF2	42.9243
SREK1IP1	3.77535
SEC61A2	7.36596
C9orf41	0.997939
CUL3	6.17442
SKIL	1.32315
DCAF4	9.79433
CENPBD1	1.359
TBC1D20	12.0039
ACOT2	10.8009
HMGCL	39.5265
HIVEP2	2.72161
PPP3CB	9.07548
SLC16A14	2.26678
METTL21D	3.71675
EIF5	24.4013
KSR1	0.190258
CTNND1,TMX2	67.1289
PPAPDC1B	38.8972
GUSBP11	4.67567
LINC00032	0
PPM1F	12.9532
ANKRD20A12P	0.676334
ERF	31.7268

EMG1	32.764
NAT16	1.4353
SLC25A28	20.453
ZSWIM6	2.57137
ZNF616	1.64486
CDC44	31.3904
TOMM34	79.9323
PPOX	16.8104
HES1	28.7275
PI4K2A	15.8022
FLJ14186	1.54081
CDC47L	33.2359
RNF123	10.3614
KBTBD8	0.783057
DBNL	40.4544
SH3PXD2B	3.58759
TMEM80	12.8213
KATNBL1	6.9378
BBS7	2.73856
SEPT2	43.9317
UNC5A	1.57184
FAM92A1	33.427
LOC81691	6.07026
USP38	3.26491
LOC400027	6.04379
MON1A	12.3635
PECR	3.47384
ZMYM4	3.77732
LOC401074	0.101009
MRPS16	37.3646
CLDN9	0.261613
LOC399744	2.2597
EHBP1L1	8.99549
CASC5	0.409975
ZDHC24	39.7509
SMAD1	4.07737
ACACA	4.27664
MTPAP	8.72367
LIMD1-AS1	5.58341
ANP32E	16.965
C9orf91	10.0463
DPCD	65.4181
NIPA1	5.95361
RRN3	14.0836
ZNF276	5.39832
NDUFV2	164.42
ACP2	8.59783
GORAB	1.67938
SNORA25	0
MPHOSPH6	20.6333
NUDT17	1.98898
KCNK5	4.62404
AMT,NICN1	1.5273
BRIX1	35.1229
FAM200A	3.88971
NTN5	0.478069
DLGAP1-AS1	3.60199
USE1	46.2439
SMARCD3	63.328
PPARGC1B	0.575722
SNRPB2	46.4584
COASY	49.9105
SNX6	24.6573
ZNF207	57.6786
CNTLN	0.920066
MBTPS1	14.7665
VAC14	29.9835
ATP6V1G1	113.249
RSBN1	2.66169
GOLGA3	6.57708
SIGLEC10	0
RBM12B	3.18594
CTTNBP2NL	5.99951
NCBP2	32.7535
CASP10	1.11671
ZSCAN20	0.326167
TIMM8B	52.355
NR3C2	0.242662
LOC286467	0.903286

RPL6	3065.26
LOC100289137	2.67564
SH3BP2	6.80789
PRKCI	7.93216
LOC440028	1.98815
CSGALNACT2	4.63772
PRKCDBP	23.7131
NADK	44.0868
ARPC1B	161.766
NAA20	95.1206
ZNF382	0.0906295
COPS2	17.9935
TTC14	1.77685
ASL	41.3461
RAB3GAP2	3.03251
SRCAP	5.64827
MTA1	48.8724
SLC9A4	0.101869
NBN	10.0795
ALYREF	130.397
GNA12	8.21148
C17orf85	2.81698
NUDT5	111.856
CCDC122	1.46469
PSME2	104.403
ADCK5	20.7454
FAM216A	34.7684
CA7	0.0412978
FLYWCH1	17.3439
BUD31	73.4229
SGMS2	2.9414
TSPO	452.911
ZNF362	2.36988
MTHFD1	33.5148
ZNF391	0.817579
EPRS	26.2957
ABCD4	16.5095
OLA1	52.3828
NBPF10	0.189195
SLC35B3	8.05721
WASH5P	2.53158
RBM8A	26.5778
U2AF2	62.2707
PFKM	52.9252
LANCL1	4.78582
MTHFR	1.05161
GRK5	5.35834
QSOX2	21.722
UNG	23.3278
MVP,PAGR1	26.5335
TNFRSF13C	1.62786
NOP9	2.34637
ZNF507	1.41601
CMSS1	35.0722
HIF1A-AS2	10.1574
CHP1	48.3385
SMARCD2	42.7149
ARMC6	25.7658
TOB2	18.5389
HAT1	22.351
GRIPAP1	11.4092
CCNO	20.0057
STARD4-AS1	0
AHI1	1.4426
RASL11A	2.35409
PAPD5	1.59368
LAS1L	25.3117
C5orf42	0.173428
PPP5C	33.3828
FZD8	1.69194
SNRNP40	43.52
PHF5A	75.2101
PSMA5	32.751
RIF1	1.89766
KDELC1	4.47327
SLC25A22	22.3792
TTC27	9.63791
ZC3HAV1L	1.9791
DNAL1	0.593772

HACL1	12.1168
NETO2	13.0139
ELP5	54.6057
IFT46	7.66773
TM4SF1	55.156
ARV1	7.50184
IFT122	3.10721
NIPA2	21.574
NFE2L2	15.4747
NCLN	52.2554
PCID2	30.1507
FBXL5	8.3582
NAP1L4	50.47
LOC388906	0.161761
FBXO28	6.59399
EIF4E	18.912
SERTAD1	99.8613
AP5B1	8.08577
PIK3R4	2.73108
CDC23	8.60259
SPG11	3.75762
SLC38A10	25.4396
BCL2L12	45.059
SLC7A6OS	13.3831
RHPN2	4.78294
FIG4	4.55253
DCUN1D5	4.969
LINC00526	1.25287
POLR3E	11.8456
ZNF20.ZNF625	1.78247
LINC00641	0.626587
UBE2D1	10.6847
RER1	39.7931
LOC146880	11.2952
LOC100129148	1.42708
TP53I3	14.8894
UBQLN4	28.8979
MEIS2	2.3998
ARNT2	2.05983
ABHD2	2.59576
ANKRD33B	1.45675
SKIV2L2	13.6251
TCTN2	1.75829
AFAP1	1.30023
ZNF189	6.59493
PHYHIP	0.169255
CCNI	59.03
CDC42BPG	0.0777519
RUVBL2	255.036
PPCDC	6.76889
RIPPLY1	0.0982353
ZC3H7B	10.2688
LOC100132077	0.0808421
DFFA	19.1428
FBXO27	0.0985022
NACC1	33.6637
ASAH1	26.5529
NAA25	5.1711
C19orf66	9.2228
OR2D2	0
AKAP8	11.0923
CRNDE	19.992
ICMT	10.9403
PDCD5	189.217
THAP5	6.78216
ABAT	1.69108
BMS1	8.4495
METTL3	14.4455
RYK	19.0851
SLC25A16	2.63919
SNHG5	1579.24
CERS1	0.0718723
ZNF503	10.6829
SRSF11	35.176
COX19	4.02632
DYRK1B	1.12577
MRI1	12.5707
TOP1	20.1341
RSAD1	34.4936

EPHB2	9.08587
TMCC2	1.82939
GLUD1P3	0.274763
PSMD1	20.4759
TECPR2	0.84944
C9orf78	65.233
MPHOSPH10	8.46621
PIK3AP1	1.86662
ZXDB	5.30644
CROCCP3	0.318337
EPB41L4A	0.757937
ZNF776	1.21327
VPS28	383.535
NDST1	4.66254
MCOLN2	6.2976
DTX4	1.19638
GTF2IRD2B	0.091715
DMTF1	3.82474
CENPB	47.1235
BRF2	12.3152
BOP1	80.8569
MIR17,MIR17HG,MIR18A,MIR19f	4.67769
UAP1	230.172
THG1L	25.5398
SLC5A6	18.98
ZNF490	1.84622
BRCA1	3.54706
FGFR3	4.60324
ZNF615	0.805218
VCP	58.361
NR2F2	3.33262
ADRM1	163.962
TNFRSF10C	1.5977
DZANK1	0.206456
PLK1S1	6.13075
NAA40	4.96674
STK17A	7.16099
MALAT1	63.2827
FTX	0.637683
NR2C2	1.48336
UPF1	24.9452
C2orf47	20.6509
PEX11A	2.94607
LOC284385	2.57906
ATP5F1	92.3119
CETN2	24.6875
MKL2	1.10426
C11orf74	11.2643
CLCN7	43.0903
ULBP1	1.15708
CSNK2A1	44.3303
CLN8	2.55529
TMED3	108.833
CCNL2	28.0469
NBEAL2	4.81029
MYC	332.732
SERPINE2	1.19228
TTC5	10.8727
RARS2	16.4236
C22orf28	58.957
PELP1	21.2593
DIRAS3	0.0975065
WRAP73	27.9857
C1orf56	5.20608
RARG	11.0384
PHF8	7.70339
GLO1	109.243
SACS	0.725992
PPP2R5E	4.21996
ZNF788	0.0732206
C14orf169	12.5007
NAP1L1	162.549
A1BG-AS1	0.14453
SLC37A2	0.2999
FXR2	52.5416
ELP6	29.1771
LYG1	3.21068
GMFG	0.351978
HMGB3	13.2662

DOM3Z	13.3944
PTCD3	11.0311
CDV3	40.6453
SMARCA4	35.8046
RBM48	7.25084
TGS1	8.61356
NAGPA	8.83784
MROH1	26.1225
SUV420H1	5.48822
TRMT10C	24.7211
C10orf2	21.2898
CEP192	0.970217
SECISBP2	8.35664
C1RL-AS1	0.261119
TPCN1	5.52625
C1S	0.356897
VWA8	2.03071
ALAS1	32.6404
DMRTA2	6.96379
ADRBK2	0.52464
PTPLAD1	31.0496
TCF7L2	4.60068
MAP4	22.9053
GTF2H2B	2.08981
GPR180	1.77738
BACH1	2.55139
NUP107	15.6631
TMPRSS9	0
RHPN1	21.2225
HOXA-AS4	0.841587
MRPL24	108.406
ACTL6A	31.8205
TMEM220	0.0787768
DPY19L4	4.83365
PPTC7	1.34401
JMJD8	53.8211
DNAH3	0
MBD4	8.81675
FAM8A1	1.40865
SLCO5A1	2.37478
EHMT2	23.1163
DHRS4-AS1	2.59786
MIAT	0.0486501
TARDBP	18.3774
APPL1	3.90043
SCARNA7	23.685
SGK223	2.6313
ETHE1	139.138
UBR7	8.14633
LOC257358	0.0662117
PMAIP1	13.1679
C11orf57	10.5988
ETNK1	5.50132
IFT140	4.16754
ZCCHC7	12.3488
PCSK6	6.29505
TRAPPC4	56.5199
RGS10	170.813
TBC1D8B	0.556245
PGLS	165.626
MEPCE	62.6221
ZNF721	3.71959
CARM1	53.7019
HSPG2	1.21574
PRRT3-AS1	5.897
PAQR3	4.50427
EMP3	165.048
REST	4.49348
KCNH3	0.730348
SCARNA16	3.3007
LEF1-AS1	0.548168
SIGMAR1	153.611
TAF2	5.37892
CD109	1.26949
GXYLT1	1.50795
XPC	11.8889
SETDB2	1.28315
ZNF830	14.6234
VRK1	12.7558

PDK4	0.148208
LOC100130557	0.580964
REV1	2.9791
WDFY2	4.15764
PRPF19	86.6583
LOC100289230	0.506915
ARL2,SNX15	197.29
FBXO32	1.62094
ZNF131	3.94651
BCL2L11	2.0286
EXOSC7	73.3551
POMT2	3.33726
CIRBP	99.1895
RFXANK	42.5229
TMEM120B	7.29817
HAUS8	11.6514
ELF1	8.49223
ZBTB43	3.96443
FLJ44511	0.130917
FES	0.59119
FTO	2.01107
NONO	174.986
DCAF12	10.5237
SHC2	18.8603
ZMAT2	34.8399
APOBEC3A,APOBEC3A_B,APOE	19.565
CEP128	0.369789
MSL3	16.01
KGFLP2	0.186303
LINC00476	4.40238
FLYWCH2	43.1225
BLOC1S5,EEF1E1,TXNDC5	127.63
RAP1B	82.702
ABCG2	0.42278
TARSL2	2.9374
ZNF850	1.85745
SGPP2	0.524594
TATDN3	5.16466
SPATA12	0.0729025
TOM1L1	8.33814
SMN2	2.94774
SCO2,TYMP	76.8199
SLC39A14	26.6313
GLRX2	20.8805
ETAA1	2.46292
HRH1	2.45563
SLC24A1	1.22314
CSPG5	0.973025
FKBP10	130.271
DUS2L	11.8978
CLEC18A	0.167051
ZWILCH	4.78305
FBXW11	9.56392
NCKAP1	26.0205
GSDMD	49.255
RARB	0.0872513
XIST	6.19989
ZNF500	4.25617
CBWD3,CBWD5	2.17151
SYT11	0
GGNBP2	14.7382
RAB33A	0.273753
CHD3	14.2204
C14orf166	210.131
LRP4-AS1	0.398293
CPNE5	0.115771
DDX12P	2.74486
CCT8	202.434
FAM183B	0.259737
SRPK1	27.8179
BNIP2	12.3155
ERO1LB	1.7854
WIPI2	27.0826
HLX	0.478263
ANKRD36BP1	0.147632
GRHL3	0.0446147
KDELC2	3.6833
LOC100129931	10.8918
TMEM206	11.5403

NIN	3.48869
B4GALT5	11.3477
MVB12A	77.7177
KIF16B	1.48588
RTN4IP1	3.14858
ANP32B	214.106
STYXL1	19.6858
MKNK2	60.915
DHRS12	2.71487
USP10	28.3271
GPR114	2.13444
ZC2HC1C	0.085912
EPS15L1	13.8898
NCBP1	12.9043
TRIM27	40.3924
KANK1	2.55917
ZNF684	1.13409
CDK12	4.75287
FBXL6	53.7972
EIF1	984.421
TMC6	32.2084
ST3GAL2	3.86207
PMP22	31.2618
RANBP2	4.34051
HRS12	54.1686
NOC3L	8.80983
C9orf69	50.1011
JMJD1C	4.99627
EHBP1	2.34691
KIAA1644	0.0409394
DUS1L	59.7633
DUSP22	15.3664
ZKSCAN5	5.32212
HOXB3	3.7183
ZMYND10	0.622703
C2orf50	0
UTP3	21.6006
SEPHS1	22.6151
KTI12, TXNDC12	62.1753
TCF25	103.813
HSPD1	433.407
LOC387723	0.818064
ILF3	66.5181
MRPS11	25.4002
CALCOCO1	9.07405
MIOS	6.92262
ZBTB47	1.79725
TMED8	0.210862
TMEM254	1.93883
FCF1	12.2691
ACADVL	131.046
HADHB	73.1014
CLINT1	9.16258
PIGZ	0.810372
EIF5A	928.205
NIPAL3	6.86054
TNKS1BP1	10.7821
DGKE	2.50646
MSANTD4	4.30988
EIF2D	32.2358
CSNK2A2	59.4443
PFDN2	328.394
NDUFA10	20.511
FASTKD1	10.0048
C9orf156	6.1487
WRAP53	23.595
FZD4	0.719447
SPECC1L	7.52384
NUDC	450.699
AGFG1	5.05128
RCBTB1	4.8253
MDFI	34.437
PRDX1	474.759
ZMYND15	2.04339
MAP4K4	8.15342
DROSHA	4.07599
MFSD9	1.68979
CLDN15	13.9531
FAM60A	34.7019

GPCPD1	2.99247
MRPL9	76.5836
HNRNPA3	40.8831
TIMM10B	9.2599
ATPAF2	11.7137
DLD	25.2872
LCA5L	0.274167
ATXN2	7.13974
ITPKC	6.88439
NDUFAF6	9.326
RHBDF2	6.132
ACAP2	3.87225
PNRC2	44.1387
SEC14L1	15.0716
CEP170	0
API5	24.3912
GOLGA7	35.6137
STEAP1	9.47762
CYFIP1	47.1017
GTF2B	19.5762
RFPL2	0.244509
ZC2HC1A	1.94188
ZC3H7A	5.32228
OSBPL7	2.8343
KATNAL2	0.166351
IFNGR2	44.5899
FOXRED1	27.1382
MTPN	34.5596
HEMK1	5.71271
CHD2	7.27004
SORD	44.1971
PAK1IP1	15.5717
NRARP	44.6386
TCOF1	27.0448
TAPT1-AS1	0.345027
SLC25A3	517.048
SRBD1	1.3845
STX1A	19.0208
NOC2L	76.0786
MGAM	0.0306657
TTL	10.321
LOC613037	4.60611
ZFP36L1	154.459
UCP2	58.8118
RUSC1	27.3974
OSBP2	5.11786
FAHD1	15.7703
CCNB1	62.1696
SMARCAL1	7.8709
FASTKD2	5.37078
EIF4EBP1	364.036
IRF9	2.77197
NLR5	0.865248
HSPA4	45.343
RFT1	9.41869
TMEM71	0.428356
TUG1	9.35773
MED7	9.22255
TP53BP1	2.96422
C7orf43	11.0778
FLJ27352	1.46619
STT3A	39.9403
ISG20L2	13.4902
LOC401321	2.81597
SOS2	1.96282
SLC38A7	1.90615
C17orf75	2.40913
TRAP1	194.159
PCDHA1,PCDHA10,PCDHA11,PC	0.154202
STX18	17.5095
YAE1D1	13.138
DIEXF	4.44898
FAR2	3.86911
MAPT	0
NSUN5	36.0061
TPK1	0.720146
MRPL46	27.1802
YWHAG	41.9305
SNAPC5	8.84229

DTNB	15.3751
TOMM40	120.764
DRG2	29.2938
POLR2F	38.3197
DNAJC17	17.9488
HOXD-AS2	8.20959
CXorf56	11.4232
CAP2	3.78358
LOC100289511	0.268351
GTF2F2	28.3516
CDK11A,CDK11B	16.0061
SNHG7,SNORA17,SNORA43	599.229
C16orf80	43.6417
DENR	23.3893
RPL23AP53	1.88511
TMEM218	2.5285
RWDD4	8.89996
NDUFS1	11.765
MRPS21	423.782
ADSL	72.8086
GFM1	7.53159
ZNF32	27.847
TICAM2,TMED7,TMED7-TICAM2	12.9056
AIFM1	35.8694
RAP2C	6.3916
EIF5AL1	3.70611
RSPRY1	2.5985
C1orf52	17.2762
SLC43A1	30.2074
PSMB7	295.27
RAB11B-AS1	3.71029
VMAC	1.14102
GEMIN5	6.42768
SBDS	56.9156
TRIB3	151.9
LOC100132781	0.0182841
PWP2	23.9733
ARFGAP2	29.39
ADSSL1	1.81248
EIF3E	842.819
ARAP2	0.70624
ABI3BP	0.016944
OSBPL8	3.83992
TTYH2	8.97234
SUGP1	17.1935
ANK3	0
GCNT1	0.855922
GNAL	3.3334
MEI1	0.0266209
MYBBP1A	28.3525
TOPORS	2.71137
NOP16	102.001
C16orf88	6.96948
LOC100132273	1.33001
MT1X	1796.73
MTRF1L	7.97993
DNAJC30	12.2858
KIF3B	2.93854
TNS1	0.150421
ELF2	3.76897
ZKSCAN8	0.336253
DPH5	21.9042
PSMD8	328.787
LOC100289092	7.91841
FANCB	0.325191
ENO3	4.25127
GUF1	7.91079
SLMAP	4.77813
RAB35	23.6904
UCN2	0.0761724
SH3KBP1	6.40308
MYO5B	1.15518
MRFAP1L1	38.36
RPL15	1249.52
SLC16A9	3.0842
SGSM1	1.0192
SYCP2L	0.105802
DAP3	90.1757
TACC1	3.10402

TCTE1	0.0390578
AP3M2	5.3644
C1orf228	0.230419
PDCL3P4	0.246471
TYW1	4.40351
MAPK6	8.35852
ZNF77	2.38533
IDE	3.53709
DHX33	9.9842
SBNO2	16.7593
POLE2	4.52294
TMEM184A	5.58211
CUTC	17.4984
HNRNPA0	55.2676
TSACC	0.619204
TPTE2P3	0
GTF3A	119.371
ZCCHC9	23.8156
PUS7	9.63075
TMCC1	1.21981
YPEL4	0.265641
APOL2	4.57245
PYCR1	226.341
EPB41L4A-AS1	97.2057
URI1	13.5058
TMCO4	6.33979
CLNS1A	117.777
STK40	17.3706
CRIPAK	1.06846
UBA3	14.6513
ARMC8	3.67311
HSP90AB1	874.887
MIS18BP1	2.55673
BCAS2	23.2362
TOR1A	42.3396
SLC23A2	1.04135
ARL5A	12.0292
TNRC18	7.11151
PABPC4	118.437
ANXA2	622.374
RPAP3	5.42518
MKI67IP	55.2591
SSX2IP	3.07298
CCDC90B	24.8057
NFE2L3	3.37304
VDR	1.4733
TRAF7	34.6923
S100A14	0.2782
GGT3P	0.200778
TMA16	12.419
TXLNA	24.8164
PPA1	211.662
DAZAP1	121.49
C1orf43	168.467
TSTD3	1.18367
ZNF3	20.3424
CAMKK2	10.9665
ZNF324	5.02952
MTHFD2L	0.909862
FAM86C2P	1.01115
CCDC174	6.19511
LMF1	28.6773
MANEAL	12.4467
SLC5A10	0.758548
MYH7B	0.0701196
TMEM186	14.9649
ARFGEF2	1.80539
CNTD1	0.161193
NME6	16.5194
FAM107B	7.75913
TSG101	39.3966
STAT5B	8.53577
FZD6	9.12179
FBXO9	6.6445
EIF3B	79
NEK4	3.22135
THAP6	2.35044
CCRN4L	13.2835
MOB1A	23.5359

YWHAE	373.818
NUP160	6.93551
SMYD2	20.3288
RNF138	8.89396
KCNK15	0.0829686
ACOT7	108.482
CUL5	2.18958
TMEM129	25.3585
MRPL4	174.44
SBF2-AS1	3.2343
EVPL	5.12158
RPAP2	5.40372
PRIM1	13.7459
MFSD12	82.1247
ATG9B	1.05262
MTMR7	1.18301
PLEKHM1	11.8973
GIPR	0.470722
RGS11	11.84
NOC4L	35.6788
BAK1	59.3925
ZNF783	1.86638
SLC25A25	16.4937
SYCP2	0.0347114
STK32C	12.8218
SLC7A2	3.38186
R3HDM4	102.87
USP36	9.16957
ZNF26	5.10247
RPRD1B	5.93539
ZSCAN5A	0.548404
COQ10B	19.6713
WDR55	17.8926
LTBP1	1.66504
ZNF710	8.83037
DDX58	0.458077
FAM20A	0.0334892
CENPC1	2.1582
ALX3	1.45621
MAPRE1	26.9435
CHML	1.60278
PPARD	11.7923
BRAT1	24.4788
SNHG8	417.072
PPIL4	8.35649
AP2A2	14.7118
C2orf73	0
C21orf58	1.58888
MRPL30	18.8331
HERC2P7	3.68956
RFPL1	0
MRPL38	114.106
LARS2	5.45245
GLIPR1	15.8469
IDI2-AS1	1.49507
HEXA-AS1	0.0783581
GATAD2A	19.1064
SPATA20	35.6631
CLEC16A	2.58817
SLC38A1	33.5483
TIMM44	30.7954
CCDC59	20.5798
AIG1	34.6832
MGC16275	2.68719
SOCS5	1.81699
ZSWIM7	10.5735
CRK	9.54815
CBY1	32.181
MBNL1-AS1	0.113125
POLA2	9.01455
KATNB1	35.7153
DRG1	66.2272
FAM120B	3.23619
LRRC17	0.0542799
ZNF584	6.22232
PSMA3	86.1158
CUL4A	19.0649
HOXD9	11.1971
PCDHGA1,PCDHGA10,PCDHGA	5.89483

DHRS1	2.31392
MRPL45	62.0706
FAM199X	3.21307
FAM13A-AS1	0.121829
INPP5B	5.54089
HOXA10,HOXA9	31.4711
NOL7	126.749
LYRM2	4.13769
HAUS2	10.1347
TMBIM6	306.162
CUL1	24.4276
MAP1LC3B	79.9806
MSRB2	10.7874
FIS1	208.233
CDC37	282
NT5DC1	11.1678
KBTBD6	1.25393
ARFRP1	17.5402
DUSP28	2.29348
NARS2	6.86304
ASAP2	3.48649
ZBTB12	6.65454
LRTM2	0
MDN1	0.7892
DDX51	9.35012
RPSAP9	9.80689
GRHL1	0.843933
ZC3H13	0.881203
ADARB1	3.81833
C6orf48	403.713
CCT4	117.474
TESC	53.9446
POLR2K	60.5744
NUP93	23.2908
EXOSC4	136.008
LINC00612	0
DDX49	41.3091
UVSSA	1.11967
E2F4	59.1456
PRPSAP2	22.1917
FAM210B	22.1335
PAQR8	2.17515
SPRYD3	27.3797
RPH3AL	3.65054
TCP1	104.448
SLC1A5	259.368
ACSF3	6.01471
FENDRR	0
ABCA3	13.4718
RPRD2	3.26182
PMS1	4.33863
LILRA6	0.0569774
ELMOD2	2.8233
FERMT1	5.3942
NCOA3	1.38198
LOC100303749	0
RRP7A	28.7159
PRKAG1	48.9185
NID2	0.0658616
POLR3K	38.274
NDUFAF4	11.1237
EEF2	2750.64
GALNT6	15.6625
KIAA1143	8.85503
FLJ37035	0.05129
ZNF696	6.61532
TIE1	0.01616
PRMT7	13.8301
EIF4G1	41.8736
HNRNPR	51.3135
NT5DC3	2.61146
LOC155060	3.24297
GABPB2	1.08146
ASF1A	5.37124
TSPYL1	22.156
RP2	1.24725
TSNARE1	5.18147
NCDN	11.3685
IMPDH2	331.257

ZSWIM3	1.54206
SLCO1B7	0.441343
ZNF573	0.0947112
PCCB	90.8469
NME7	8.41226
HDDC2	42.551
GTDC1	1.39979
SNX24	14.0936
CXXC4	0.00765116
ZNF567	2.72532
MCOLN3	5.16523
BTBD11	0.420221
MPRIP	9.07135
NUDT4	17.0376
ZFC3H1	2.00112
NVL	7.0573
RSL1D1	74.4186
XIAP	2.61667
ELP4	11.5997
EXOSC2	34.0886
LEPROTL1	11.8329
NINL	2.0786
TYW3	9.71517
NOP2	32.5378
IL15RA	16.868
ANK2	0.359811
NSF	6.44235
MRPL21	116.661
UMPS	5.35484
ADORA2B	35.5366
ICT1	52.8015
ELMO3	2.0618
MAPKAPK5	13.2638
METTL16	5.64029
KBTBD11	3.68215
TUBAL3	1.15843
PDGFA	7.24907
UNC5CL	0.646642
CCBL2,RBML1	16.6263
MEMO1	33.8683
PPAT	8.35116
APLN	3.55546
MYSM1	1.70373
OXLD1	49.8846
ZC3H14	10.4029
CDC42SE1	37.37
PBX3	24.6451
LOC100506190	14.4781
BBS5	0.759203
MAPKAPK3	77.0737
FAR1	6.78686
WWC1	8.79668
TANGO6	2.52425
EIF3D	250.591
MPV17L2	15.2722
IFITM4P	0
COX6B1	403.199
LOC100506668	4.47625
DYNLT3	5.80332
DNMT1	18.8868
C6orf70	8.51186
FTL	10423.9
C1orf53	2.12095
DMBX1	1.5254
SNRPA	152.057
EIF2B1	13.5851
SLC25A14	6.24514
SLC35A2	17.585
ZNF440	2.72555
ERLIN2	4.00257
BCS1L	28.2552
EFCAB11	13.3055
SLC25A21	1.15458
KHSRP	62.2747
SESN2	69.9284
FLAD1	33.18
ZNF71	4.12321
SNX10	10.8129
SIRT5	5.04133

LAP3	27.8653
SLC30A9	15.8207
ALDH2	72
WDR18	89.3413
MTHFS,ST20,ST20-MTHFS	21.6138
ANGEL2	5.6789
IFIT5	3.40004
DDX31	17.243
CDKN2AIPNL	35.2829
AMACR,C1QTNF3	2.16081
MRPS25	13.5208
CCDC17	0.210492
PPP1R37	12.7751
FAM49A	0
C2CD3	0.227611
ZNF217	2.04992
RNF207	1.69886
NAT10	31.6424
CAMKK1	5.15775
SF3B4	65.9818
CCDC14	4.696
GABPB1-AS1	1.51313
DDX56	39.7908
ACSS1	1.18394
PRPF31	48.5706
GPATCH4	22.5637
FAM45B	0.0328689
SLC25A53	0.00881195
TFR2	20.6107
PDCD11	11.3216
ZNF781	0.0342609
AP3D1	15.7214
ZNF28	1.49141
TSR1	22.4222
IK	19.8945
ZNF766	4.23526
TRIT1	16.6747
AMER1	0.588806
PSMC3	83.7774
NQO2	107.35
SLC30A5	5.98207
TMC5	1.60483
TF	0
IBA57	1.66288
FUNDC1	14.058
LUC7L3	25.18
HPS3	2.84367
C21orf33	78.0803
TXLNG	13.3306
CMAS	19.1513
RBM25	11.0111
TNKS2	3.6179
ZNF589	5.68855
LACE1	1.0479
RMND5A	5.12584
TMEM138	19.6266
POLR1C	62.2359
SHPRH	0.752578
NSUN2	25.9585
C12orf66	1.14979
ELAC2	31.6325
LOC646214	0.184004
B9D2	7.74251
UBP1	18.0964
CSNK1A1	33.6727
NEDD9	0
LOC100130015	3.4543
SERPINB6	111.426
EZR	80.0467
KIFAP3	1.85257
NOP14	24.5073
ZNF121	1.50941
FLVCR1	3.24569
ZNF17	1.03479
ZNF526	4.56706
WHAMMP1	0.674953
RCL1	12.7777
FABP3	0.0830885
ERI2	4.03211

TMEM236	0.045231
SP110	1.63406
FAM207A	106.455
GALNT12	8.14889
RPUSD2	17.6164
MIR22.MIR22HG	2.97599
DCK	5.19408
BAG2	23.1882
AGBL3	0.0517869
EXOSC8	38.8856
SLC41A3	22.942
RGS20	0.0543622
GPD1L	3.24981
SEC22C	8.45629
LAMC2	0.105949
TBC1D7	6.61449
HNRNPA2B1	153.589
ACADSB	2.38771
DRP2	0.0380759
HNRNPF	122.33
TBXAS1	0.217494
SURF1	49.1007
CDC42BPA	2.5122
GCN1L1	16.0804
SLC9B2	8.21183
GNL2	31.8553
LOC730101	1.76158
NUP88	28.7981
PRKXP1	0.169596
OSGEP	30.086
SP8	0.19985
CBLL1	7.08185
REP15	0.688781
UCHL3	56.478
SURF2	87.3245
MB21D2	1.77997
SMG9	42.5755
UGDH-AS1	2.26993
SCAND3	0.569965
SNORA49	0
SKI	8.66704
LOC728537	0.957171
FLJ39051	1.93394
HCG18	1.59268
C3orf62	2.80339
DCTD	65.5885
EFR3A	5.43563
VPS33A	7.78819
RPTOR	5.72126
FER1L5	0.0297971
TWISTNB	4.70613
GFAP	0.0378834
THAP7-AS1	2.82785
TNFRSF21	3.3327
WDR53	2.91417
INTS10	29.2168
AKIP1	25.1123
DUSP5	168.572
BCDIN3D	2.65048
LRRC8B	1.62623
NPRL3	51.455
C6orf211	5.63856
SOBP	0.576367
COG8,PDF	33.1735
APOBEC3D	0.172351
FANCF	4.46039
MB21D1	5.23477
KIAA1033	2.31239
PSMG1	78.205
PDE6D	10.6189
BCAP29	9.293
PLAA	9.61143
TRIM23	1.84769
DIS3	7.30631
CHSY1	4.25609
STPG1	6.4345
PCDH12	0.0192493
CTU2	20.89
ESRRA	67.9387

TTC19	25.279
RAB18	11.7561
CNOT10	14.4861
RMDN3	15.475
DVL1	87.3897
BTBD2	82.0048
PIEZO1	20.0528
CLUH	35.1679
C19orf55	1.41074
ODF2L	2.77363
GABPB1	8.4453
SUMF2	74.4054
LAMB1	17.3872
USP45	1.36259
TPRG1L	18.5099
CCNT1	4.65633
DDX42	19.2574
ABL2	22.081
CDKN2B	3.88419
PHF14	4.99641
TATDN1	70.3292
LRRC47	33.6341
NPRL2	17.4308
ANKK1	0.226347
FAM185A	2.29163
LARP1	28.2034
C11orf95	5.66113
PSMD12	31.7042
XRCC5	81.2335
LOC100288637	1.32551
LOXL1	5.75516
C9orf131	0
LOC149134	1.73298
WDR12	16.777
GSS	72.7966
POGLUT1	3.62807
NT5M	10.7401
PXK	1.5851
MXD4	29.9315
ZNF780B	0.775016
MSRA	11.2479
C1orf74	1.9332
C15orf41	2.17056
S100A6	2546.35
MPZL3	0.0989486
ZNF605	1.73061
SRSF8	7.10554
GATM-AS1	0.102432
PIH1D2	1.23745
POLM	6.92851
VPS36	5.26033
LOC728730	0.461659
C8orf33	36.9968
C1orf216	9.20778
MKLN1	5.75243
TMEM106A	0.7233
PPP1CB	21.6847
RASD2	0.626343
LBX2	7.42052
UTP20	1.81652
GPR83	0.174296
COL5A2	0.0576353
PCNXL3	8.25019
RBM43	1.42113
SETD8	20.3685
FASTKD3	10.0465
RP1L1	0.028121
UNC50	33.55
NACC2	8.75722
UQCC	22.1523
MNT	6.2661
ATAT1	1.33997
ATF6	7.94006
DHX57	3.16835
MFAP1	18.597
CCDC137	26.8291
DDX19A	12.8065
ACCS	1.6885
ZFP69B	1.30027

EOGT	4.38201
DUSP6	23.3604
AHCTF1P1	0
PNPLA3	0.798478
PPP1R16A	34.6199
LOC100505715	0.266398
AKR7L	1.66246
ADAT3,SCAMP4	41.9909
ERRF1	96.9615
BBS10	2.55299
MRPS17	77.0675
CHD1L	31.8509
LAG3	0.116743
NEK9	6.18884
SEC63	5.26461
ZNF786	3.51487
GLTSCR1L	0.759486
CYB561	13.7894
BRD3	8.92167
AKIRIN2	21.1812
DOCK3	0.0255423
CTAGE5	5.70934
HIRA	7.62828
NDUFAF1	15.0115
XYLB	1.77724
CYLD	2.17978
ST3GAL3	3.60385
LOC729013	8.34038
HGF	3.85817
MRPL10	100.645
WDR20	9.94017
ZNF543	0.763977
ASCC1	9.15317
TM4SF20	0
MORN4	5.6315
TK2	4.58396
FHDC1	0.334671
LHX4	0.932953
C4orf32	5.05786
ITPRIP	6.7505
POLR2A	11.319
LFNG	2.07008
HNRNPAB	150.057
FEZ2	154.277
ANKMY1	1.61453
DKFZP686I15217	1.05311
COP22	5.91449
RABGEF1	5.19326
GDAP2	1.32761
USP35	2.47532
KLHL35	15.8569
PSMD9	37.1452
WDR83	14.8598
HR	1.06461
XPOT	21.0077
CRYZL1	6.37504
HMOX2	38.4916
GPR125	5.48264
PHLDA2	115.921
ABHD8	10.3953
FOXK1	9.65063
CBX6	6.31934
NMI	9.69699
SEH1L	25.1554
AACS	10.8428
MED28	43.8593
CYP26A1	0.0255062
E2F6	8.23089
FBXL19-AS1	0.352289
MRPL15	62.5638
SET	328.679
VSIG10L	1.23171
ATRIP,TREX1	6.00656
MYO5A	2.65034
ZNF770	10.0697
SLC9A3	0.347504
EPN2	9.40907
AGFG2	1.71212
PMS2P5	3.3672

APOC1	11.2975
DIAPH3	7.28154
HNRNPA1	826.866
BTBD3	2.60639
LOC153684	0.148469
PANK3	3.55627
FCHO1	9.74256
FAM222A	1.03337
MTOR	3.33125
FAM120C	3.05655
ZNF614	0.208228
TUT1	12.5468
IFT80	2.17758
RIOK2	7.37929
INPP5A	6.55402
PRR7-AS1	0.894328
DCLRE1C	3.08049
NARG2	2.43398
CYBASC3	9.25997
RBM26	7.68723
USB1	30.398
MICAL3	4.58137
ZNF773	0.820897
RAC3	242.343
GAR1	53.037
SLC27A4	54.6423
ACP6	19.2274
EMILIN1	0.254595
MEGF8	1.19521
MTMR10	2.32887
ALG8	27.7791
CIRH1A	40.9297
MTIF2	17.3275
COBL	4.3752
NSMCE4A	21.5796
SLC45A3	6.89917
TFDP1	24.554
WDR46	42.9107
BCCIP	61.9081
INTS1	18.7996
APPL2	5.03959
TIMM23	122.134
DPH3	3.6727
G3BP1	41.0716
ORAOV1	6.85156
MAOA	0.0248906
CTTN	78.7442
NPHP4	3.11267
MTA3	14.379
CCZ1B	7.31723
GOLM1	49.9965
ARHGAP40	1.64153
BIVM,BIVM-ERCC5,ERCC5	19.2162
AARSD1,PTGES3L,PTGES3L-AA	36.7666
BACE1-AS	0.594543
OXNAD1	2.24949
TRMT5	5.30285
LRPPRC	34.0116
RIBC1	0.429587
KRT7	5.22985
TMEM128	15.6816
FLJ10038	0.877271
PYCR2	74.1971
ULK4	0.284032
MAP3K15	0.649834
IFT81	1.14531
MGMT	81.283
C7orf53	0.66907
OPRL1	2.05105
DBT	1.32064
ATR	0.924058
SNHG1	210.942
PSMC6	34.2169
KAZN	7.23567
WDR43	23.7384
DNAJA1	95.2085
FGGY	8.18159
FLJ26850	2.44053
MYCL1	4.13719

GPATCH2	0.862342
RPA2	30.245
FLJ30403	0.892289
CA13	5.28363
VPS37B	50.865
HNRPDL	44.0678
SLX1B,SULT1A4	0.555738
SLC9A8	3.46317
PSD4	1.63053
DYNC1LI1	19.0017
UGDH	7.18007
KIAA0020	15.5575
TMED5	7.62488
SLC16A1	36.1988
PHKG1	27.9816
NUDT19	17.8538
SSR3	281.632
C16orf91	32.7984
APLF	0.352299
PIGQ	36.4345
ZNF398	3.14201
NDUFB5	76.4466
SNHG12	39.8221
DYNC2H1	0.898472
PDCD7	17.4115
POLK	1.5744
WDR67	2.68551
CTSL1	127.19
SMG8	6.51789
KIAA1147	4.07943
DCAF13	56.3086
ENTPD3-AS1	0.154401
CAMK2N1	24.8147
CCDC111	2.45157
MTRR	5.92777
AADAT	6.05152
DNAJA2	29.9687
USP50	0.845793
UBE2N	42.3789
SEMA3F	5.09643
C7orf41	3.37839
NOL8	6.84253
CACNB2	0.0519541
CCDC64B	0.0553551
MRPS23	40.6855
ZC3H12C	1.01646
YAP1	11.4842
CDK14	0.00767905
RNMTL1	31.2303
RBM14,RBM14-RBM4,RBM4	110.856
PCBP2	228.225
UNC119B	11.2477
CTNS	5.54931
FARP2	0.594242
CREBL2	6.08257
LEO1	7.38664
FGFR4	11.4898
TLCD2	1.65781
MCL1	81.5178
AGPS	3.77695
ARHGAP39	6.26167
TMEM86A	1.17653
CHTF8	41.7324
GAS2	0.0774847
RABGGTB	71.3056
HSD17B1	30.6418
EIF3M	158.111
ZNF350	2.98303
DLX1	5.28596
TFAM	6.79044
UPF3B	6.27648
G6PC3	73.7915
CSTF3	18.2901
HSP90AA1	300.516
DOPEY1	0.41362
NRD1	23.1685
KCNQ4	6.25179
SLC35F6	21.033
DHRS4L2	12.7158

CEP63	2.25834
JUNB	33.7202
ZNF181	1.95659
CHIC2	22.3582
LOC400657	3.13761
TMEM41B	32.3495
CENPK	2.57993
ATP9B	2.51446
TSTA3	193.461
PRPF40A	11.1909
TSPAN7	0.78679
JAGN1	33.2409
ORC5	22.7801
SNORA8	30.5931
C6orf164	0.180653
GDI2	192.61
ZNF497	1.93045
UEVLD	1.17635
PRMT6	7.0011
C9orf72	3.9007
FRA10AC1	6.08482
PSPC1	22.066
ACAD8	14.4918
CENPQ	5.26754
RPP25L	104.87
ATXN2L	59.0333
TXNDC9	3.11917
ACP1	69.6392
GSPT2	4.75692
PPIL1	25.4312
REXO4	82.0897
CCDC78	4.50814
MED31	8.21523
FAHD2B	20.8804
C2orf44	3.50261
PLRG1	14.6269
POLR3GL	28.6506
FARSA	107.847
MGME1	12.3435
IDH3A	16.1055
PRMT3	4.97678
CDH3	0.141049
PLN	0
MOCOS	17.7569
KPNB1	47.0378
TRA2A	34.601
DUSP7	27.2712
ITGA2	1.00128
RPL22L1	374.589
SPATC1	0.0371203
TIPARP	13.3931
LOC100506548	29.1287
TRIM65	17.6864
DNTTIP2	18.671
PPP2R2C	0.0113151
ZKSCAN1	2.14961
POLR1B	10.4823
C17orf82	0.287655
RECQL	5.22537
PARP9	1.85704
ADPRH	0.962318
GNB4	0.0896886
CPSF6	10.8572
ABCC9	0.496721
RGPD4	0
PA2G4	135.02
AHSA2	5.29072
RABEP1	8.99556
ASS1	130.185
ELAC1	2.33002
GUCA1B	1.3233
CYP39A1	0.252234
ZNF517	7.55274
PLBD2	10.0778
DDX1	32.1822
RASGRP1	0.771692
ZNF622	35.2365
CSPP1	2.24907
MYOF	15.969

LOC100093631	0.3549
FARSB	30.5792
PEX1	5.00602
STAT2	5.18594
ANAPC13	35.8272
NAP1L5	0.968694
ACYP2	4.30333
RRP9	86.3599
ARGLU1	44.3377
SENP6	5.17842
POLA1	2.17658
THADA	2.0693
PALB2	3.32066
RAN	436.14
PES1	95.6485
UBB	1228.13
ZNF429	0.616021
TNPO2	16.4595
XPNPEP3	4.94799
RECQL5	7.29926
CCDC51	18.5248
MAN1A1	1.21166
MCAT	21.281
NABP1	31.9122
SLC38A9	4.70168
STK4	7.23934
WDR90	5.05102
HIVEP3	0.258864
MYO6	1.82855
SLC25A12	3.93589
JAG2	19.686
SEPHS2	61.272
TUSC2	19.8386
FOS	4.68925
ZC3HAV1	5.98634
KMO	0
LOC100289361	7.54264
RPL26L1	95.4667
MTFMT	11.1288
LOC100133161	0.141984
MAX	43.6904
RNF13	6.51666
HIST1H2BL	2.66646
TSC2	11.1997
CLCA2	0.00899844
MOCS3	5.41879
NGDN	23.2879
TMEM150A	14.3372
SCNN1D	1.0269
CHRNA2	0
RNF187	66.3005
RRP1	54.8681
MAPK8IP2	1.21689
FYTTD1	8.64134
MDM1	2.42683
ACHE	5.37034
MOAP1	19.2603
LACTB2	18.7997
ATXN10	23.9795
UFL1	4.42853
TAX1BP1	15.6846
TBX15	0.0375798
CBR4	5.06826
SLC35F5	4.77827
MTAP	37.4208
PLA2G6	2.31352
PDE12	9.61567
ZNF862	1.57227
CAPRIN1	44.9111
CTBS	3.8672
LOC440600	0.0937318
GTPBP2	45.2279
LOC100134368	0.355442
SERPINE1	463.332
BAZ1B	9.81046
ZNF720	2.27301
SP140L	4.30794
RHOBTB3	7.66809
GGCX	7.14718

PABPC1	1012.37
CD24	5.07389
LOC93622	24.147
PM20D2	11.8703
FRMD8	12.2512
ODF3B	13.0968
MED19	5.82024
FBXL19	12.144
YEATS4	29.1148
SLC10A5	1.43242
ZNF540	0.211195
PPP1R2P3	0
LMOD1	0.162488
MSH2	7.83839
SPATA7	4.44448
LYRM7	1.7004
SNAPC4	12.982
ZNF749	0.658246
CDK17	12.3905
PCLO	0.0217342
AGK	12.0929
REV3L	0.493509
FAM206A	20.8387
MLYCD	9.69415
MLF1IP	9.64576
PDE4D	2.9101
CARS2	61.9511
PPIF	65.6877
SUPT6H	17.4524
BAHCC1	1.31152
TRA2B	28.7895
C19orf33	320.16
PWP1	37.9945
RMND1	36.3575
CCNJ	4.08668
MARVELD1	14.9275
HEATR5A	0.815552
ZNF260	2.72376
ZNF629	7.04922
LIG4	1.18782
C1QBP	355.735
C6orf132	4.88234
ZNF467	1.79182
ZNF69	2.60175
ACTN4	56.9888
CD58	8.35334
CNIH2	0.386705
PITPNM1	15.6758
TFSM	25.0119
COMT	59.8656
ZFP112	1.01246
AURKC	1.13347
GLS	11.3628
ZBTB1	4.49075
SMAGP	194.191
ARHGAP31	1.39679
ZNF43	0
NCAPG	6.59397
ZNF611	0.367594
LPXN	1.74952
SLC25A20	3.93136
GADD45A	152.13
CDH23	0.0214816
MRS2P2	0.0148919
CYP1A1	0.453203
ADAMTS17	0.028164
CCDC25	12.6415
IL6R	2.69418
RNF149	19.1639
DHX29	3.65706
L3HYPDH	3.40714
CNPY2,PAN2	122.82
HS2ST1	4.28733
SLC2A11	3.34022
BCL2L2,BCL2L2-PABPN1,PABPN	144.72
PCBD2	3.2803
GNN	0.0349329
FAM114A2	4.26071
PLAGL1	11.4437

ZNF197	3.46119
LINC00673	0.187104
HSD17B10	137.628
FAM13B	2.69552
GABPA	3.24997
OSBPL3	1.68334
HNRNPA1L2	9.08022
GALM	4.72717
SCP2	31.9855
NLE1	43.347
FGD5-AS1	12.3808
RRP1B	16.2552
BICD1	0.29714
VDAC1	159.448
ARID5B	0.206269
DPH2	25.5053
WRB	17.6686
CYCS	25.7824
ZNF264	1.5442
LOC645513	2.23569
FLJ42627	2.6354
LOC100505761	12.2424
POLR3D	37.0781
LINS	2.22237
TICRR	4.62982
DHX34	13.7532
VPS53	3.42815
C9orf139	0.0171232
LOC100652770	0.0654481
MRPL35	11.6876
GOLGA6L4	0.119908
NAA15	8.12652
GTPBP3	21.6725
KLHL9	7.99494
EML3	16.3486
GUSBP1	2.96531
DHX9	29.2158
KLHL8	1.58194
ARRB1	5.35034
TMEM70	33.2915
MUSTN1,TMEM110,TMEM110-M	5.38797
HUNK	0.42544
CASP3	5.53811
RFX5	16.3758
WIPI1	11.4337
LY6K	0.223082
USP6	0.219167
TCFL5	7.6425
ATP11C	2.06519
CES2	9.16585
AIMP2	13.4865
HIST1H2BI	0.684016
PNPT1	9.44525
NOXA1	8.74852
MORN2	9.20045
IREB2	4.79624
DRAM1	7.77529
ASNSD1	18.4025
IL17RE	0.74222
C15orf55	0
MEGF6	0.869639
ISCU	64.8346
MGLL	32.1326
DTD1	67.8094
PLIN1	0.114802
C1orf109	8.50511
NOM1	8.1243
PEX11G	3.24883
GHITM	92.7774
PIGB	3.254
RPA4	0.254649
LOC646762,ZNRF2P2	2.39105
MAGOH	75.2201
LDOC1L	6.37233
LOC100129361	5.02745
SH3BP5-AS1	0.66017
TSN	21.5894
CCT3	365.096
LIN9	2.38021

LRRC58	4.42366
EPHX2	4.70028
ENC1	13.6475
CCAR1	7.19981
BPHL	17.9288
PNPO	14.529
CELF3	0.0320407
HELB	0.435162
RNF20	6.84344
XRN2	23.6627
AKAP11	2.21656
RAPGEF3	0.707379
CLIC4	26.281
CCDC77	3.85092
CRLF1	0.860395
KLC2	38.4489
GTF2E1	5.71639
SCLY_UBE2F	37.3788
AQPEP	0.00823408
ETV5	13.9069
CCT5	89.2681
BTF3L4	15.0877
FUBP3	24.103
LRRC8D	7.56325
DNAAF2	8.59686
TUBB2B	0.969477
NEUROD1	0
SPIRE1	6.21005
HEXDC	2.49052
LAT2	0.559404
PSMD14	91.2535
ZNHIT6	5.60219
ST5	1.66793
ALG1	5.41281
UGGT2	2.49923
C4orf22	2.46283
DDX10	11.4589
LYPLAL1	14.5259
B4GALNT3	2.06868
CCDC112	2.18776
ME3	10.9492
DPM1	45.8731
RARRES1	1.36744
SRGAP3	0.020595
CLN6	57.1029
APOLD1	0.322906
PTRH1	82.7738
DNAJC11	19.3515
STK36	3.07073
LOC391322	3.37598
NSRP1	8.63901
TTLL13	0.106476
LPCAT1	30.5048
LOC283174	1.02603
PCMTD2	5.76765
CPSF3L	95.6589
DNAJA3	43.6317
ERH	263.736
EFTUD2	39.0877
TMPRSS6	0.065359
C6orf203	14.3223
LOC645249	17.2628
FAM78A	4.07945
ZNF562	3.88733
UBE2Q2	12.9428
DOC2B	0.597096
ARPC5L	113.749
ATP11A	2.20588
ABCC10	2.31432
PDCD2	45.4086
SLC35E2B	6.37012
TOB1-AS1	1.20934
IFT52	13.6597
CCDC125	2.07276
CCDC34	9.13915
CYP26B1	1.02191
FBXO24	0.334322
DNAJC6	2.0103
OCIAD1	46.8531

LOC284412	0.531018
NOLC1	24.9484
MPP5	4.65627
TMEM194B	13.0363
CHD4	18.7286
KCTD13	12.0865
EWSR1	120.869
CCDC41	1.87207
PION	1.12792
FAM169A	2.77957
SFMBT1	3.40604
RARS	39.935
FCGBP	0.0295718
MARS2	7.36611
EIF4A1,SENP3	1027.59
TMEM175	8.04793
WDR75	11.2684
JAZF1-AS1	0.0410541
C17orf76-AS1,SNORD49B	1463.46
ASAP3	5.69416
UBE2G2	21.3129
EIF6	320.489
KIF3A	1.89286
NUDT12	2.92052
OMA1	7.61301
WIBG	20.0661
RNASEH1	9.92897
CNIH	70.825
SLC16A13	13.1831
BZW2	96.9227
TMEM69	49.84
HDHD1	14.5749
DUSP12	26.4456
CALML6	0.143663
ADCK1	4.35378
SLC25A33	25.5386
HMX3	0.95742
THPO	0.306926
AGAP2	0.357193
SLC4A11	12.0668
SLC2A10	2.12405
VKORC1L1	10.3241
ACSL1	8.91319
PPM1N	5.99818
FAM13C	0
ZNF14	2.35168
ZNF473	3.64271
NMRK1	9.59705
C12orf76	1.80274
ARHGAP24	0.148613
WWC2-AS2	1.00038
BCLAF1	9.67331
AS3MT,C10orf32	5.87019
UBQLN2	12.3088
PIK3C3	9.39633
SDR9C7	0.0280026
ARMC2	0.105648
PUS1	43.8297
IVD	16.583
ARHGEF2	66.2494
SPIN2B	2.75157
C7orf25	6.59885
LOC100128881	22.8467
CORO1C	110.521
PDE4A	1.59845
TXNL4B	7.89568
ZNF638	5.19773
LINC00657	29.2467
TPMT	4.7763
ABCB8	5.76296
ZNF474	10.9079
ERCC4	0.740978
WNT10A	1.53595
NLRP9	0.0593802
FAM110D	0.725356
GTF3C6	60.8355
FERMT3	0.423293
PROCA1	1.03418
PAFAH2	3.36219

TRMT61B	9.86673
ASNA1	102.504
ZNF83	3.05606
RFWD3	8.8914
RRP12	13.5251
PELI2	0.818905
AGER	1.43524
SH2D4A	3.90695
EFCAB2	1.86438
KIAA0247	1.79967
CRYM	0.900565
DDX28	15.1656
STYX	3.28986
LOC344595	0.834515
GID4	5.16156
C9orf66	0.311805
TTLL11	2.87466
SLC1A4	9.727
SYMPK	21.7638
PMEPA1	1.07635
AUNIP	6.98701
DND1	10.214
DNAJC7	40.4524
MUM1	8.92896
POLR1A	5.99497
ZFP90	3.00841
POLR1E	44.2323
NAT9	33.815
LZTFL1	3.12154
ATP5S	6.7579
EXOSC1	34.5812
ECHDC1	22.1131
NIT1	37.4423
SMARCA2	4.85161
XPO4	2.84884
C15orf37	2.54288
GSTA4	10.8578
MSTO1	8.84255
ZNF7	19.3632
KCTD5	30.9623
ACAD9	13.881
PLXNB3	0.593764
KIAA1430	9.78015
RNU6ATAC	14.355
KLHL5	1.57283
LOC339874	0.24429
SSR4P1	0.514481
GRASP	0.382683
POP1	6.33896
HDAC9	8.81159
ACBD6	34.6943
SAMD11	2.2306
LHFPL4	1.06374
DNAH17	0.172389
HIST3H2BB	0
SMKR1	6.98249
DLAT	4.77367
MEST	14.4418
KIAA0232	1.96748
HSPA8	766.127
KIAA0895	0.610341
CRB2	0.0140171
KEL	0
MR1	1.35543
PLCG2	3.25015
KCNIP3	3.55423
FUBP1	25.1024
HECTD1	4.05421
KIF5B	14.9163
C19orf57	0.441096
RAB23	2.3648
TCTEX1D4	0
LOC100129480	0.0447737
RCAN1	12.1891
LOC100505978	0.118449
SCNN1A	0.916263
KIN	2.29016
PITPNA	18.1439
CEP72	9.20126

FBXL14	2.09072
C5orf55	3.00357
AP4E1	1.51599
NOB1	172.572
LCTL	0.578397
OR10H1	0.0686968
RND2	0.490054
MCCC2	23.4658
ZFP62	3.15982
NHLH1	0.0247609
ABHD14A,ACY1	105.569
NANOS1	2.85514
VIPAS39	6.76605
PIPOX	0.0985351
PLGRKT	14.6863
LRRC69	0.210227
FAM167A	1.08208
HIST2H2BF	2.00627
SPAG1	4.15561
VAR5	66.8217
TRMT6	10.7624
CLUAP1	3.52095
PALLD	5.47233
PRODH	1.05369
MAMSTR	1.19286
NFKBID	2.51128
GK5	0.648772
IL27RA	8.89399
DCUN1D1	4.34721
ANKRD42	0.35687
ABCD1	13.101
AMIGO3	3.2471
FAM188B,INMT	0.945671
WDR25	5.52458
SNORA71A	14.2553
UCKL1-AS1	0.0583152
MRPS10	20.9826
PDIK1L	2.14862
ZNF627	4.35684
ILF2	160.266
LOC100009676	2.48805
PFDN6	123.013
FLJ31813	0.295888
DAGLA	1.60328
TRAF3	4.60036
HOXC4,HOXC5,HOXC6	13.2631
VAX2	0
GPR179	0
SELT	27.8724
HNRNPH1	72.3874
HTR7P1	0.999414
TXNDC15	7.9245
ANAPC7	16.002
CEP89	2.82473
ACOX3	6.49243
C12orf43	5.89552
MRM1	11.8318
IGF2,INS,INS-IGF2	0.0110394
TMEM136	5.87334
ACOT9	31.7616
ZNF674-AS1	1.7633
GMFB	7.96457
WDR27	1.4969
CDK7	48.6388
ZNF101	3.29581
CRYL1	29.5931
C15orf40	17.7489
L3MBTL3	1.05058
NEXN	0.0108305
GBAS	28.6492
PTPN11	11.6146
ARMC5	6.88424
ZNF302	4.81846
RFXAP	2.97162
DNAJC22	6.51605
H2AFY2	23.9838
ZNF529	1.71282
HOMER1	0.858514
KIAA1704	3.22782

NSUN3	1.86967
UFSP1	4.1859
NFXL1	4.04113
SOAT1	4.25068
KRTAP4-8	0.881779
DLEU7	0
JUN	210.277
ATP1A1OS	3.81234
DKC1	47.0675
TMLHE-AS1	0
CCDC117	5.05928
LAIR1	0.0537159
NIP7	23.4824
HEATR2	21.8448
PSMB8	88.7564
ANKRD20A2,ANKRD20A3	0
KLRAP1	0.201606
MATN3	0.0159072
THOP1	78.563
CLIP1	5.51498
IL23A	0.877364
METTL15	3.145
PIGW	4.68905
IFT57	7.89501
ZBED6	0.175998
TMEM144	7.2678
PRDM11	0.265629
SNHG10	5.94374
RDH10	4.89102
CISH	2.62537
BRICD5	5.0273
METTL8	2.64589
UTP6	22.2542
GMCL1	1.98422
PANX1	3.44176
LYAR	28.5713
TRIM25	22.1232
S100A11	978.2
LOC100268168	5.26609
PIIP5K1	4.73874
SYNCRIP	15.351
PTPN9	7.74144
ATP6V1G2,DDX39B	182.536
STK19	6.02819
NOL6	10.2952
DNAJC27	0.901628
LOXL1-AS1	1.24059
KIAA0754	0.217485
ID3	254.439
USP40	3.65219
IQCH-AS1	2.80981
PRKAG2	21.5322
SH3D19	3.79948
HOXA3	0.472636
LRWD1	39.0063
TMEM63B	10.1722
C19orf48	453.672
ZNF420	1.27604
EID2B	1.972
RHBDD3	23.504
NEURL2	1.96326
HTATSF1	7.30105
DGCR9	0.0877034
GPANK1	22.0758
HAX1	93.883
TAP2	22.1838
FBXW8	1.83794
NPM1	1863.74
NT5C3	16.2446
NR1D1	12.5435
MAGEF1	37.169
BIK	6.34837
C12orf5	2.96162
SHC4	0.0179056
PREPL	5.24802
RSL24D1	172.369
EVC	6.90377
BRD9	14.2086
KCNAB1	1.27361

TPX2	36.7214
GINS4	5.58456
NR2F1	3.47979
SPRTN	1.9405
KDM6B	7.61558
LRRRC28	4.82542
ICA1L	0.408215
LTBP4	14.1637
CCT6A	99.6427
H3F3B	196.764
GCH1	7.15597
HPX	0.221674
ABHD14B	48.7819
WDR45	43.8769
POLR3B	1.22191
MPV17L	0.0242279
ADTRP	0.186973
MGC72080	19.3444
ATPBD4	5.19672
ECI1	199.114
WDR44	1.67716
C22orf23	5.61103
MRE11A	2.41532
QPRT	0.202068
NAE1	48.1947
FRAT1	4.07487
LIN52	1.14498
SCARNA1	0
ZNF136	1.22746
FPGT,FPGT-TNNI3K,TNNI3K	1.98415
MTMR9LP	3.20602
SRXN1	46.3702
VASN	1.80272
MECR	17.8411
ZXDC	6.65569
PSMC4	54.7556
LMO4	5.93197
SLC13A1	0.0405226
CPEB4	0.820188
SNORD21	0
SRSF5	72.4806
ABCC5	6.31191
DPY19L3	2.47794
PABPC1L	6.07362
THTPA	12.594
WAC-AS1	18.1323
KIAA0586	0.613254
SNORA4	0
TTC21A	0.237957
CAAP1	4.49933
TADA2A	4.77291
ZMYND11	6.82399
SRSF7	54.1585
HMGA1	1335.39
SLC51A	0.283375
CHAMP1	4.80345
METAP2	30.5967
SNORA70	70.0439
GRB10	10.1557
SATB2	1.75405
BAZ1A	5.09257
BUB3	141.873
PPFIBP1	4.09951
AGAP1	3.46364
C2CD4A	0
PASK	1.9919
ZNF793	0.00499146
GCSH	13.9777
GOLIM4	0.590336
FAM101B	0.0763026
LOC100133985	1.55724
LBX2-AS1	10.1671
ADAT1	0.869644
C3orf38	4.6242
MST1P2	0.909582
RBM28	24.2268
MAML3	0.788164
ZMYM1	2.06849
OVGP1	1.33417

LOC284260	0.129347
AGMAT	8.72654
PAN3-AS1	0.845278
MFS7	0.0887372
ATG2A	12.1804
ID12	8.3595
MYRIP	0
ACR	0
KITLG	0.187158
MRPL50	51.1985
VAR2	19.1115
NDOR1	13.5039
RPS6KC1	1.38165
SSBP3	15.886
RACGAP1P	0.0138116
THBS3	2.07096
PCF11	3.78049
STXBP4	0.210416
JMJD4	21.5356
TMOD2	0.981713
HGSNAT	6.69118
GLRX3	149.433
NOTUM	5.07836
PHLDA1	86.2278
COX6B2	0.418369
PUS10	0.482995
RFX3	0.637899
DUS4L	6.65113
FKBP7	1.60501
DIS3L2	4.68933
RNF141	3.84673
TCTEX1D2, TM4SF19	113.646
TPD52L2	114.074
KIF7	9.96861
PRKCG	4.11064
LOC554206	0.866035
LOC100506305	0.0305435
BCL2L13	6.69785
P4HTM	18.3074
UBAP2	7.17105
WDR19	2.53339
POU2F3	0.0175827
PRH1, PRR4	2.38824
ADAMTSL5	5.04819
NMNAT1	2.72709
RFC3	7.3574
EID2	30.003
GLB1L2	17.2408
RGL4	0.577429
ZFAT-AS1	0.0482757
LOC100133331	0.869154
STXBP1	20.2045
FBXW4	28.2351
SORBS1	0.197524
TBC1D14	1.04985
TSPAN3	53.6811
SERINC4	1.53042
SEPT10	17.4344
ZNF41	0.341563
MED10	54.8876
ACTR3B	14.2102
TMEM38A	2.13422
MED6	17.029
LINC00282	0.0106422
FLJ14107	0.088257
PIBF1	1.51354
LINC00035	0.537255
TARS	65.7768
CEBPA-AS1	3.46844
MEX3A	6.22479
NADKD1	3.67869
GTPBP5	7.34351
CASQ2	0
C11orf49	21.447
PDC	0.0306292
CCDC146	0.416501
TRMT1	56.5436
WDR93	0
EMR4P	0

KCTD18	2.76426
GPATCH11	1.19328
TRIM56	1.53383
STRIP2	3.34878
C3orf58	3.38444
LOC100505875	0.427213
HEG1	1.98743
TTC18	0.514929
KIAA1324	0.178426
CBX3	85.6533
NDEL1	6.83929
TOE1	10.7389
ZNF479	0
ZNF552	1.63913
TPCN2	3.4168
KIAA1984-AS1	0.891201
LOC439994	3.68082
LOC100506730	2.11323
RNF14	6.24212
B3GNT9	8.48505
HMGA2	27.5293
ESF1	2.19864
AARS	53.7342
RPL21P44	0.0855203
SNORA20	0
HNRNPU	49.6734
LOC100652999	0.169439
NEMF	3.72848
RIMBP3C	0.0126608
SRSF10	28.5626
FAM86C1	3.04136
NRP2	0.929435
DDX46	5.52846
PHTF1	2.04026
OTUD6B	4.5503
MIR612	0
TSEN15	15.95
UBLCP1	9.70706
HEATR3	2.63368
THOC7	47.1304
TMEM182	0.794816
CCDC57	4.30698
ANKRD26	0.154956
HIST1H2AB	1.03966
CARD9	1.49577
ENKUR	0.304013
ZNF587B	2.62763
DNAJC16	2.29337
SRSF3	88.3414
ATAD3A	59.2564
HSDL2	19.5474
FBXO30	5.31719
LYPLA1	40.3827
BCDIN3D-AS1	0.0403871
LOC100288181	0.374669
ITGA3	33.9105
PLEKHF1	8.34548
EIF2S3	112.447
TFAP2E	4.13417
RAPGEFL1	2.46233
ZNF566	2.45983
PNN	16.8635
CRTAM	0
HOXA7	15.4704
TCEA1	59.539
INTS2	1.78348
RUFY3	2.3742
GLRX	686.087
PLEKHA4	9.04426
CTPS1	23.1563
TSC22D1-AS1	0.153324
HSPA9	190.957
SRSF2	103.675
SMURF2	100.071
GNL3L	4.56671
CCDC18	0.32168
SLC7A5	106.576
CACNG8	0.129164
SNX5	54.3188

NCL	279.551
ZBTB46	2.33467
PPID	27.5977
PTCD2	2.92038
DDX52	5.4018
MTHFD1L	39.7025
C19orf44	2.53051
ZBTB48	11.7203
ZNF37A	2.3632
LOC100289509	0.376229
SCAND2P	2.71623
ZNF155	1.42036
EIF5B	13.5029
C2orf74	0
RGPD3	0.0615642
RAB40B	13.1154
PIGX	4.36671
ZNF251	8.95051
ADRB1	0.132653
ARL13B	0.753019
GCLM	3.27699
ZNF70	0.694361
RRS1	41.2329
LOC728431	0.800214
MED17	11.1959
KIAA0556	1.84921
CIDEB	1.66474
FAM86A	12.703
CDKN2A	1.40322
CAD	14.3618
HIVEP1	0.259633
GALR2	0.452663
C6orf62	35.2968
FAM214A	1.59314
NEK8	1.0924
PRR9	0
TBCCD1	2.37289
HOTAIR	0.873228
RANBP17	0.564838
GRIN1	0.0656275
NINJ2	1.13465
CASP8AP2	0.350736
EFCAB4B	1.52387
SETD9	3.54528
DYNC2L1	13.0061
ABHD3	4.79298
C5orf34	3.45376
DCAF17	2.01532
PNP	84.2545
ZNF774	0.557862
ZNF485	3.47652
ATIC	80.4419
IFT172	2.23702
DNAJC19	17.7567
LINC00085	0.626655
ALDH16A1	10.9057
PGBD2	1.92158
QRFP	1.02475
ENDOU	0.0186939
C20orf202	0
XKR9	0.182928
MTG1	33.5611
FAM120A	44.8439
TLL2	0.0267698
EIF1AX	33.7657
HMGB1	86.9937
TMEM231	13.7805
VIM	11.2186
TSPEAR	0.0649781
PMPCA	139.371
MIPEP	11.7104
FBXL17	1.40292
TFAP4	18.7792
ORAI2	3.76986
LOC100507577	0.502967
TASP1	3.08179
NPM2	25.2328
ATXN7L1	1.40337
CPT1A	11.5695

C1orf162	0.710797
ZNF446	8.45577
FAM22A	0.900731
CCPG1,DYX1C1	3.32107
MPL	0.029334
HOXC8	2.72334
LTBP2	0.861206
NLRC3	0.139943
RHBDD1	3.76714
FAM83H	38.188
ZNF441	0.528383
TAF15	77.1294
ZNF320	2.59895
DACT3	2.69043
HIST1H2AJ	2.46425
CPT2	10.6115
WDR65	0.0189812
SPPL2B	6.74172
FGF11	2.15928
GPR4	0.0203687
C9orf169	3.76263
KPNA2	114.224
DES1	25.2546
SLC22A15	1.49363
FBXL13	0.11987
LOC100128338	12.4216
RRP15	1.03672
TSC22D3	18.4338
PSMB9	17.6412
TMEM44-AS1	2.13889
SF3A3	38.5253
KLF10	15.0204
TFB2M	16.709
CPSF3	25.4166
ZNFX1	2.85685
UBL4B	0.115102
KIAA1737	3.90335
EIF2S2	116.603
TTC32	3.59395
ID1	48.2576
INO80	3.78956
SMO	0.10932
ADHFE1	0.381796
CATSPER2	0.626504
LEF1	8.77507
FSCN2	0.160461
SLC35G6	0.0605371
AHRR,PDCC6	106.778
MORC4	8.59568
ZMYND8	2.25413
EBNA1BP2	87.9416
WDR61	26.6698
ATP8B1	0.0139535
SCO1	18.6733
STK4-AS1	0.0619959
TIGD2	3.26625
DMRT2	2.97735
SRSF1	24.3313
PLK3	15.0796
PCGF6	10.7234
C16orf93	3.29481
B3GNTL1	7.9112
RBM3	84.4598
AMH	0.327112
TTPAL	4.62372
LOC100507032	2.79938
TMED2	87.6949
FAM69B	4.54465
PBDC1	24.611
SSB	55.8664
FAM215A	0.222197
MAD1L1	11.0416
UTP15	4.30505
KCNAB3	0.803531
LRRC40	4.51677
IFT74	3.19155
TAS2R14	0.354308
RGL1	0.182466
PFKFB2	1.81365

SATL1	0.425388
AVEN	6.96448
C17orf47	0.0622473
MMRN2	0.2307
ZEB1-AS1	4.81009
VHL	22.5427
PTPLB	0.609554
PPIEL	0.0378549
TEX14	0.0247434
ARPP19	15.3392
PDIA5	8.84832
DDX5	76.1314
CARD8	3.30116
REM2	0.43256
SLCO3A1	2.45851
ZNF326	5.61857
CLCF1	5.79647
USP15	4.13805
ANKRD24	0.246714
MYEOV	11.6919
DBN1	124.813
CATSPERG	0.175977
AHNAK	16.0837
MAP7D3	5.80649
METTL9	24.6266
TRDMT1	0.696016
KCTD15	12.6561
TXNRD3,TXNRD3NB	3.6167
RBM45	5.62379
IPP	1.12473
SOWAHC	8.61491
TMEM67	1.63573
RPL7L1	19.1298
SNAI1	11.4634
GJA9,MYCBP	8.44881
ZBED3	0.770227
NOP14-AS1	3.09839
CPLX1	6.35952
FMNL1	0.0178812
ATP2B1	1.78444
UCHL5	11.4075
RIPK1	6.81274
ZMIZ1	2.1261
RAC1	123.159
PEX5	37.4597
PTPN1	22.5052
STAR	0.053305
BEST4	0.0347991
NOV	4.17678
NUDT9P1	0.247467
ZNF839	5.88984
NBPF9	0.829588
DEPDC7	1.88889
ACAD11,NPHP3	10.5143
C22orf43	0.165628
FIP1L1	11.4732
ELFN1	2.8897
RWDD2B	10.6619
RSU1	12.4029
UXS1	10.9114
HPDL	12.1844
LINC00311	0.0602771
ANKRD6	0.0629897
FN1	0.0244384
IFNE	0.188775
HOXC9	2.05713
PMS2	1.2875
MAGIX	1.31105
B3GNT7	0.108999
FAM98A	13.0287
SUSD5	0.0429145
SRSF6	27.5631
DTWD2	0.560924
SPATA6L	0.674338
ABCB10	3.40388
LINC00094	2.7238
AGSK1,LOC727849	0
SKIDA1	0.163085
ZNF285	0.0133568

TAF1B	4.64458
SHANK1	4.54977
FAM222A-AS1	5.01103
MYO15A	0.0222778
FBF1	1.18257
C21orf119	8.25765
NGAMT2	8.76996
C5orf24	6.41282
SUPT16H	30.0806
CCDC24	7.82531
NBR2	2.5424
ITPR1PL2	5.19638
VPS13C	1.33161
AUTS2	1.73315
DHX36	7.52475
NUPL2	14.3965
COL10A1	0.0248695
ZNF551	0.769708
IGFBP6	224.372
RPS10P7	2.55359
DUSP18	0.423157
CSTF2	11.6478
MX1	8.67208
ZDHC21	1.12416
KLHL21	44.5444
PARS2	6.81652
PANK1	0.323892
LOC100131094	0.20466
PLCD4	0.391783
GART	37.9277
ZC3H8	12.9518
FAM107A	0
LOC100505549	1.29069
PRR3	6.04424
KLHL29	4.33567
TERT	1.13999
FKBP5	7.25544
NPL	0.805436
ZADH2	5.89012
MCMDC2	0.218098
RNF6	15.0993
CA11	15.2559
ETF1	37.1589
CCDC96	0.527841
C17orf97	8.79065
MBTPS2	2.81266
LANCL3	0
DNHD1	0.759664
NFKBIZ,NXPE3	17.9233
TAF12	43.8505
CCT2	216.832
ZNF514	1.4861
PRNP	35.5599
UTP14A	13.6144
CCDC103	1.68943
IMPACT	4.97894
CDH12	0.0181545
LOC100130231	0.00727428
TIMMDC1	40.6618
TRIM72	5.31609
LTB4R,LTB4R2	3.97844
LOC399753	0.216683
ZNF691	10.9098
LOC100506714	1.91181
VWA5A	4.02938
HBS1L	5.20294
THNSL1	11.7387
PHGDH	157.665
SRD5A1	3.7073
PAPL	17.4184
SLC25A37	29.477
UBXN11	11.0779
C21orf67	1.68571
ELOVL6	8.37287
C15orf56	1.90223
ATF7IP	2.38173
SRPR	21.9492
DNMBP	1.93643
GSTO1	785.889

ZNF846	0.341444
BAIAP2	21.6722
SFXN4	58.5798
NOL9	8.24205
DSEL	0.00402882
MLLT11	0.839272
CCDC138	1.05607
OGFOD1	16.292
THOC5	32.9696
LINC00467	11.8332
LRRC56	2.22576
NOX1	0.0795217
GDAP1	2.11049
LYRM5	8.34003
SLC6A10P	0.0450297
ZNF747	7.84251
C9orf64	11.0259
CCDC74A	11.3563
SLC18A2	1.446
LOC145783	0.228737
SHE	0
APOE	1.07058
SIAE	8.23383
PPAP2B	0.398991
EFR3B	0.210125
LRRC37A4P	1.18422
SUV39H2	6.84961
SYT7	3.24833
NTSR1	9.291
TXK	0.132816
COQ4	90.1324
VMA21	12.6594
CITED1	11.9966
CAMTA2	23.3453
ELK3	11.3326
STOM	0.0167832
SPDYE7P	1.47899
NKAIN1	2.32033
TMEM37	0.172118
CCNE2	2.38052
PODXL	31.5461
DUSP23	27.8225
LOC100130691	0.136301
NFIA	1.19229
URB1	5.45139
GNRHR2	5.54463
EXPH5	0.355754
WDR60	2.05726
LOC729737	0.305132
HPS5	2.07536
UBXN8	6.69006
FIBCD1	5.8692
BMP3	0.0736154
CLEC17A	0
C1QTNF6	1.09087
ACADM	11.4386
LRRC66	0.0374945
ENTPD2	159.07
GAPDHS	0.201668
SHQ1	5.57512
TSPAN1	0.351399
ZFP2	0.238359
FBXW9	11.6609
HOXD8	3.768
LRRC27	3.52686
FLJ12825	0.241989
UNC13D	0.727761
PSMG4	35.8422
IPO4	39.5873
TDG	4.53445
KIAA1377	0.086173
BCL2L1	146.629
LINC00857	1.05503
PFAS	10.6663
GLI1	0.227525
INHBB	0
ZBTB21	3.45671
C3orf43	0.157474
FANK1	0.636767

MFHAS1	1.61011
CSNK2A3	0.336014
NOP58	49.1894
MUC5B	0.00366245
EPT1	4.52367
CHM	2.33038
TRNT1	9.58932
ZNF324B	2.77649
MBNL3	0.327262
GRK7	0
EXTL2	6.12989
SYCE3	0.871505
SPEF2	0.644927
RBMX	187.615
MRPL1	9.9066
NRBF2	7.51202
PYCRL	25.0975
NRIP3	0.0226868
ADAT2	2.85872
SPRY4	63.4468
LOC100130894	0.150053
RBCK1	50.8352
TRIP4	6.85181
LYSMD2	12.5375
PCYOX1L	5.31657
MOGAT3	0
TRIM74	1.11525
TRIM59	0.175116
FBXL2	0.0461714
EDF1	1100.55
SPIN3	2.21655
PXN	109.372
C22orf46	2.11305
SMIM6	0.0742466
FILIP1	0
FAM175A	6.95119
FUS	49.628
CCDC15	0.044315
GAS8	4.91351
DAK	10.1661
ARRDC4	0.689358
SYTL1	16.1375
B3GNT6	0
EPHX4	7.02011
LOC100287036	0.222476
TSLP	5.10618
ITGAM	0.0327397
CCNE1	15.4193
RAB6A	26.1108
LOC284080	0.14228
RNF32	1.8274
TTL1	3.23374
ST7L	3.91944
ABL1	42.5712
LOC100272217	1.34507
UROC1	0
AMHR2	0
TOR1AIP2	19.2743
FN3KRP	16.4112
SNAP23	27.559
CABP1	1.7699
SLCO1B1	0.0624759
LRRC73	2.81186
CASC4	10.1397
AKAP5	0.0899746
ZGLP1	2.14816
PN01	16.4177
ALKBH8	0.976845
LOC100507501	3.16429
PTGES	0.162621
ZNF195	6.89224
WDR96	0.106496
RBM34	26.7237
LOC100129794	1.41393
RASL10A	0.195088
LOC100506054	8.14482
UCP3	0.07996
FONG	1.29907
SMPD2	11.484

UNC5B	2.0047
HOXD3	1.07729
CYB5D1	5.20891
TUBE1	11.1072
LOC100133091	4.39459
MOV10L1	0
LIMS1	3.75178
GOT1	45.4219
SYTL3	0.641179
ALS2CR11	0.0226489
ZNF37BP	1.7295
EIF3C,EIF3CL	0.0481995
CHRFAM7A	0.0625708
VSTM5	0
ADCY7	7.67257
SOCS4	3.05258
PLEKHN1	2.37102
EPHA10	0.94041
C12orf61	0.408019
LOC100505622	0
HERC5	0.0571467
NIPAL2	0.294151
MID1IP1	35.5391
ZNF738	0.865279
PFKFB1	0.245312
FBXO15	0.858652
DISP2	0.974385
ZNF595,ZNF718	0.361963
ODC1	225.954
SAT1	155.342
AMDHD2	29.4403
ISG20	63.452
LOC401052	2.06107
IGF2BP3	6.90353
CCDC106	1.02229
RAB9B	0.200755
LPAR6	0.0137343
SHOX2	0.217579
ICAM5	1.93334
ZNF814	1.51862
KIF9-AS1	0.342128
TUBB3	98.1592
SRRM2-AS1	0.338644
SH2B3	14.7144
FAM157B	0
MLKL	9.56829
LOC100506124	0.491861
C2CD2	26.3575
CDKL3	1.14536
LOC642361	2.63126
MUTYH	13.748
RPS6KL1	1.30801
SCARF1	0.682047
ZFR	9.16643
PSPH	18.9508
PLEC	17.9862
ZNF763	0.758029
PPP3CC	0.083972
LTA	0.0400778
PTCHD4	0.199978
FLJ33630	1.10799
ZSCAN32	5.70163
CLEC18B	0.231561
DNAL4	12.7391
ZC3H4	7.25537
AGAP7	0.321681
GIN1	1.40225
ALDH1L1	0
TMEM209	7.96368
ADAM9	12.8847
ABHD16B	19.1644
CNDP2	19.3
GORASP1	8.7799
COX4I1	616.981
APOM	3.8578
ARSG	0.936987
IQCK	2.69934
MRS2	10.6332
GPBP1L1	13.9309

NRL	0.593827
LOC644961	0.179402
CAPNS2	0
SNORA63	80.029
DPY19L2P4	0.0634441
TCHP	5.14832
DENND2A	0
LOC649395	0.0230586
CCL3L1	0.174705
DHFRL1	1.13425
LARS	36.8961
HLCS	3.69243
RCN1	67.139
MICALL2	2.41493
ANXA1	286.923
RASSF5	0.532539
N4BP2	0.464697
C16orf74	72.7666
ATG16L2	21.3106
ZNF556	1.30132
ATCAY	0
CCDC144A	0
GAB3	0.00871252
PSME3	38.6332
GLIPR1L2	0.0228753
RDX	0.0281956
FAM208B	3.53462
SFPQ	78.8364
NMD3	16.1399
OSM	0
CATSPER3	0.904871
CDC123	156.921
CN5H6.4	0.108185
ARIH2OS	1.68368
SMTNL2	0
ZSCAN12	0.768751
ZSCAN12P1	1.13135
GF11	1.53769
ACOX2	1.12997
HNRNPM	88.36
CEND1	0.229528
SPDYE6	0.285236
RPP40	11.9925
CDK8	4.03866
MYL5	6.55857
RAC2	10.3611
GK	1.35886
PIWIL4	0.456979
LONRF2	0
FCRLB	0.575077
SNX19	2.4287
PYGL	55.881
UTP11L	23.2536
GPX7	0.0424873
SPEF1	0.108706
ZNF521	0.0670188
C5orf28	3.55886
SLC9B1	0.492012
ZNHIT2	30.0555
SLTM	9.00407
C1QTNF1	13.5492
DTD2	4.95531
NUBPL	1.45772
CXCL1	0.0419646
LOC100289341	1.46533
TBL3	32.8061
SLITRK2	0.0114259
IARS	93.5401
MCM3AP-AS1	0.157225
CCDC11	1.37042
AMDHD1	0.491516
NARS	54.4122
PRMT5	85.1907
MDH1B	0.329235
MEGF11	0.0154849
PRRT4	14.9595
GTF2H2	1.0397
SH3BGR	4.23279
DENND6B	3.27379

THBS2	0.52238
NRF1	3.5146
CSE1L	54.9962
C5orf22	3.94587
PTPRE	1.07872
IL11	14.2843
SCRN1	0.0160133
MTHFD2	106.276
CTF1	0.455152
TYRP1	0.0408514
MCM9	1.05127
PIGP	46.7252
HCG27	0.533688
KIF21B	0.0913635
CCR9	0
WDR5B	1.38519
B9D1	40.6678
LYRM1	16.0265
LINC00346	2.09738
GDPD1	3.97091
LINC00176	0.402832
SLC4A5	5.994
MAGOHB	3.70061
ZSWIM8-AS1	3.68027
SLC43A2	4.55135
SETD6	5.95667
LOC100507634	0.460107
TEX19	0.651424
BCL2A1	46.2179
IDUA	3.03457
PP14571	0.0547922
LOC100289019	1.76811
GNG12	28.8634
TGM2	147.592
FBXL18	2.0161
MMP14	15.1391
LOC641367	0.062373
LOC100996307	0.290898
BMP4	0.93482
GGT1	7.91781
STX1B	0.604141
SHC3	0.0399178
IER2	147.79
RGS9	0.121907
TIPIN	8.10726
FRMD3	0.0355047
KCNK9	0
SOCS2	9.26953
CCDC70	0
CLCN1	0
STAT1	6.77548
WNT7B	0
ABTB2	2.85584
HPYR1	0.0476436
ARMC12	0.293972
ATG7	6.03384
GTPBP4	55.7421
LOC100506469	7.39813
PIK3R5	0
KDM1B	2.21907
RAD9B	0.568133
ZFHX2	0.184936
EBF4	1.2626
DPH3P1	1.18832
NHEG1	0.0447556
BIRC7	0
MYO18B	0
ZDHC1	4.26603
WDR92	3.36558
SPTBN5	0.0113373
ZNF599	0.318134
LINC00244	0.105245
ITGB2	0
CPOX	11.5815
C9orf116	24.5116
PLIN4	0.175957
GFRA4	0
IPO7	15.2793
HBG2	1.02685

MAP2K3	63.4974
EPM2A	0.71746
TEKT5	0.110524
OTOP1	0
PLA2G2D	0
OXTR	0.0861116
CD37	0
PYROXD1	3.61198
FAM151B	0.305209
KANK3	4.09249
IGSF9B	0.173193
RASSF8	0.187352
C12orf4	2.31693
ANKS4B	0.0145573
MAT1A	0
C10orf91	0
LOC100216546	0.222997
TSEN2	6.96717
SLC4A1	0.0415602
ZNF702P	2.22057
SHROOM4	0
C11orf93	1.13791
HSF2BP	1.5854
C3orf49	0.0314387
CARD16	0.0672947
MAT2A	35.5955
ZNF124	2.7202
FAM182B	0.115964
SARDH	0.305897
MYH3	0.221444
TOP1P1	0.0996288
CHST5	0.398095
PDE3B	1.07435
FAM90A1	0.718766
GALNT15	0.00943209
MIR1282	0
CTRC	0
PSIMCT-1	1.36021
PDIA2	0.127992
CNKSR1	0.482181
PAMR1	0
DCST2	0.0514821
EIF3J	19.6239
ADPGK-AS1	0.110177
PFN4	0.26763
RHOF	138.838
ERGIC1	86.8934
IPO11.LRRC70	11.0373
ZRANB2	16.9769
ATF4	662.486
ZNF658	0.232575
LOC642852	0.902845
OGT	19.8546
SARS	227.33
LDLRAD3	3.34315
KIF24	0.668052
SRCIN1	0.663487
NAPG	5.62713
ZNF280C	2.30441
CASP8	6.93198
CD247	0.032319
ZNF32-AS2	0.701598
MGARP	0.253245
HSD17B6	0.801855
PYGB	26.238
SHMT2	369.139
TTC30A	0.142519
KRTAP2-1	0
TMEM88	1.5384
ANP32A-IT1	0.012736
EPHA8	0
FABP5	276.826
IZUMO1	0.0350808
LOC100131691	0.356545
PRKACA	22.8308
SV2A	0.0235794
GPR158	0.235202
PAPSS2	0.147452
KCTD12	2.09179

ZSCAN18	0.0369243
SEC14L3	0.0216798
LOC100507462	0.106112
THAP2	0.696673
EHD1	30.3058
LOC100996291	0.0194669
ZNF587	1.76927
FSD1L	1.28599
PLEKHG4	5.20125
AHNAK2	1.59601
FGFR2	1.18423
DPY19L2P2	0.0122469
NPW	0.740277
FGF2	0.00572797
CARD6	1.17114
YARS	85.0313
HOTTIP	0.0955313
DIS3L	4.61583
TDRD5	0.372373
SMN2	5.25972
MORC2-AS1	0.771741
N4BP2L2-IT2	0.363151
ARL6IP5	17.1429
SIGLEC9	0.109236
MYLK	0.031894
PNPLA1	0
LHFPL5	0.0233478
PDCD1	0.0720925
EIF3C,EIF3CL	1.48103
LOC100287314	6.90801
TNNC2	0.312146
NUP133	10.1554
LPP-AS2	0.500982
LINC00570	0
ZNF808	0.458468
SFXN2	8.68673
LOC652276	4.71402
ZNF704	0.381862
HS3ST2	0
ACTR6	12.99
SLC46A3	4.47686
LRRC37A6P	0
TMED6	1.19606
RUVBL1	58.3742
MGC16142	1.32916
FAM173B	1.8983
SRL	0.0116961
DCHS1	0.0339854
AP4B1-AS1	0.0758788
SAMHD1	1.38042
ASRGL1	1.29945
RSG1	2.03785
SCG5	0.202842
OSTM1	4.52034
ACOT6	0.0504503
MKNK1-AS1	0
MAEA	29.9876
PRSS22	12.3342
ZNF778	0.322365
LNP1	2.14137
GABRB3	1.01702
ASB3,GPR75,GPR75-ASB3	4.80003
C11orf65	0.691386
OAS1	0
INSM1	0
NUAK2	0.203083
LY6G5B	4.22819
BEND3	1.65431
TERC	0.59477
FLJ42875	8.6256
USH1G	0.532193
REL	0.227767
BVES	0.00709529
ZDHC14	1.7864
CSF1R	0
FAM186B	0.125988
CEP164	2.85588
SNORA33	31.5612
LOC100505648	0.483157

LOC643406	0.117295
PDSS1	7.99881
ZNF252P-AS1	0.17029
ALOX12B	3.46946
EPB41L4B	6.10725
SLC26A2	1.73788
ZKSCAN3	1.33392
PRKAR2A	1.30128
CCDC141	0.00415682
TSSK3	1.48039
GTF2H3	10.4334
LOC646719	2.17568
TPTE2	0
LOC100499405	0.0188086
SLC25A18	0.13758
ASUN	11.8038
ZNF568	0.0650952
MYLK2	0.58824
TEKT3	0.22525
CYP27B1	1.85895
LOC100129961	0.26504
C5AR2	0.0613552
RGPDB	0.0923631
ACER2	0.0644507
SARM1	0.792026
ACY3	0.177121
CIRBP-AS1	1.27166
KIAA0753	2.56779
PSEN2	8.40868
TVP23B	10.4257
C1QTNF8	0
ANKFN1	0.0680927
C2orf81	4.80104
CCDC102B	0.0492691
LOC100506123	1.56962
FAM83G	12.2747
PTER	7.04094
TES	0.0460709
LOC100506599	0.873289
DGKI	2.30428
SLC35G1	2.12557
NEK11	0.612197
ZNF837	2.23164
RPS26P11	2.00241
NUDT16P1	4.0277
IL20RA	0.731069
ZNF577	0.419592
C16orf52	1.77978
REEP6	22.7452
USP32P2	0.0780968
RCSD1	0
C2orf16	0.136204
TRPC1	0.182176
C1RL	5.77842
TCEANC	0.255418
CASC2	0.262971
CEBPB	146.523
ARHGAP11B	0.966188
DUSP1	124.952
FAM209B	0.98907
KBTBD7	0.2565
DEGS1	27.3013
NFIX	9.54984
KANSL1-AS1	0.915453
ALX4	0.0109038
RNF138P1	0.0356285
LOC100507489	0.129758
LOC389791	0.478298
EFCAB7	0.906793
ZNF790	0.523835
STRC	0.112286
ENTPD7	3.77483
FAIM	9.04493
LOC646329	24.545
TMEM254-AS1	0.0355436
TMEM27	0.605568
IFT43	39.3201
RNF5P1	0
LRCH3	2.15003

LOC283335	0.617025
COL11A2	0.331697
LOC284023	7.48315
SLC25A45	2.04044
ARHGAP5-AS1	2.82003
RABL5	9.87932
PODNL1	0.183528
ADAP2	0.0178371
CLTCL1	1.50509
GPR182	0
RTBDN	0.764033
SRCRB4D	0.864902
NKX3-1	3.57038
ANKRD18DP	0.108982
PSMG3-AS1	0.461176
MYADML	0
ROR1	0.0733255
CDC42EP5	23.1138
LINC00515	0
FOXN3-AS1	2.61567
AQP1	0.105978
RAB36	3.08864
ZSCAN30	1.75362
CDNF	2.12438
ACSL6	0.012639
TSPYL4	3.52828
FCN3	0
KIF26B	0.233656
CLDN6	0.0940431
IL18R1	0.203439
HIST1H2BE	0.245357
CHRM3	0.189349
SCUBE3	0.0281535
ZNF655	24.3627
IFI16	49.0168
TEX30	0.276804
STAMBPL1	6.2613
HIST1H2BF	0.757635
SUN3	32.5138
CTSO	0.19546
MYH15	0.170025
CTH	20.3373
SPAG8	0.0743968
CCDC30	0.0619389
KLHL7-AS1	0.0325837
C6orf195	0.0778584
LOC100126784	4.85688
BEST1	0.201032
LOC731223	0.747001
ADAMTS14	0.0114343
GRIK5	0.573599
GOLGA8T	0.149138
MLLT10P1	0.105658
LOC338758	0.039718
SPDYE2L	0.0523909
BIRC2	21.5955
OPN4	0.0292152
MAPKAP1	96.1332
NOMO3	0.0222158
ZNF239	3.31463
KIAA1456	0.0157547
ANTXR2	15.339
EFHC1	1.19977
TTC26	2.32489
ZNF91	0.904331
RPGR	1.45314
FAM86DP	7.38858
TYW1B	1.18431
TRIB1	23.2937
CATSPER1	2.69102
GPR113	0.040729
TOMM20L	1.21534
SULT1A1	12.2532
GDF15	251.001
CCDC66	1.76039
FLJ38109	0.0604129
FAM228B	0.978328
NPAS1	3.02057
EIF3A	36.6164

ADAMTS9	0.171806
PROB1	0.719514
ASIP	0.201559
FBLIM1	0.51679
LINC00470	0
HSD3B7	35.4081
KIAA1875	0.0939019
ME2	19.5624
SDSL	37.7273
LTC4S	1.0608
MXRA8	0.526046
MIR31HG	0.59214
ALDH8A1	0.153579
TANK	8.82906
C14orf183	0.0512568
ATG10	2.18021
XXYL1	3.46897
FAM86B2	1.15991
ARHGAP9	0.193473
FBXO4	8.48796
LOC100506207	0.190907
ERVK13-1	1.21689
LOC100271836	0.0659685
APOC1P1	0.187389
SLC39A3	38.4216
TPP2	12.1896
LINC00174	1.2555
WFDC10B	0.256588
ZNF572	1.7966
LOC728752	1.27673
ABCF2	62.7333
MBLAC2	1.54685
CCDC81	0.119927
CEP41	1.67946
AQP3	0.145545
THEM4	4.14574
COL18A1-AS1	0
SSTR5	0.036008
NXPH4	45.3729
HEY1	3.69674
RASA3	19.1301
PCDHB10	0.345928
ENPP2	0
VRK2	3.36969
GRK4	0.538627
ATP6V0A2	1.3344
FADS1	0
LEAP2	0.645136
ROM1	2.40686
STX19	0
RNF165	0.451043
POU2AF1	0
C9orf117	0.644285
ELAVL3	0
C9orf43	0.57176
PRRG2	1.07353
AIM1	0.0109843
UNC79	0.0104652
SLC36A2	0
KIF21A	1.22684
HOMEZ	3.66051
LOC100130855	0.469927
OTC	0
SLC3A1	0
TMEM178A	0.117959
LOC100505918	0
ZNF724P	0.588394
FTSJD1	6.79811
ANKRD34A	2.82825
RPGRIP1L	0.354155
PTAFR	0.0606982
GTF2I	0.951717
KRTAP4-9	1.2219
LOC643770	0.419744
SLC25A30	0.813837
LAMA4	0
ITPR3	56.9178
NRSN1	0
NAV3	9.45192

WDFY3-AS2	0.378674
LRRC34	2.15987
HIST1H2BH	24.3208
DDO	0
LOC257396	2.03503
C7	0
SCN4B	0.0871838
LOC100505912	0.213358
LOC653653	0.0845314
EID3	0.233171
CRMP1	3.21154
C12orf69	0.0371727
CCDC151	0.806482
AANAT	0.17922
TSPAN11	0
VWA8-AS1	0.0379238
OASL	0.0233116
ARHGAP4	0.423031
SOCS3	23.6117
FAM102A	17.3314
CCDC157	0.468322
CARNS1	0.0375861
VILL	0.353506
HOXB-AS5	1.80383
CASP4	206.292
TMPRSS7	0
SCN2A	0.00427215
TMIE	0.456844
LRGUK	0.158877
C10orf25	0.617392
SNX29P2	0.0399196
IER3	75.3428
MAP1A	0.136002
FLJ39639	0.282942
WDR73	13.5336
LOC389634	1.48432
FAM86EP	0.864189
AP1S3	0.0106606
PRTFDC1	7.36559
ZNRD1-AS1	0.671442
TRHR	0
TMEM17	0.647316
ENO4	0.247956
SERPINB1	87.3357
MRAS	2.01922
CCDC147	0.582075
SNORD97	5.11059
KLHL31	0.0355658
MAPK13	19.2224
DNALI1	0.0166307
LOC441242	0
OPLAH	42.0831
HBEGF	36.3135
CACNA1C	0
TOB2P1	1.04701
KRTCAP3	1.18553
SNORA62	0
OCLM	0.152591
TAF13	12.2895
CHAC2	5.54803
MYOZ3	0.0269485
CCDC148	0.159328
NPC1L1	0.0127034
VEPH1	1.39222
GFPT1	9.85193
GPX2	0.0461927
ADAM1A	0.677243
PRRT2	0.028316
PACRGL	3.73927
EN2	0
LIAS	11.844
CBLN3	0.235517
HDHD2	6.35269
APC2	1.12091
C8G	0.102425
LOC100506713	1.6102
ANKLE1	0.477194
ASB13	21.2725
CPSF4L	0

GCSHP3	2.63507
PRSS36	0.336357
C19orf71	0.404947
PRAF2	3.00014
ITIH4	0.333797
CHPF2	40.1036
WDR31	0.374672
SETBP1	0
FAM53A	4.18083
ZNF713	0.249674
AKAP3	0.305106
MAK	0.115077
LOC100507053	0.0526817
RFPL4A	0.275559
GPSM3,NOTCH4	0.193714
PTBP3	13.1823
TRAF3IP1	2.96574
C14orf142	7.78594
PACSIN1	0.0280432
CCNYL1	3.66645
HIGD1B	0.288729
LHB	3.36819
ZNF80	0
DYNC1H1	31.0035
ZNF397	3.86356
C16orf95	6.60175
CDK2AP1	58.0109
RNF216-IT1	0
C7orf63	0.681437
C10orf95	1.92023
ST6GALNAC4	320.58
SNX29	0.660637
ARC	6.75565
METTL20	0.534523
SECTM1	9.29445
PKD2	2.30938
CPS1	0.915324
ZNF417	0.496724
LIF	30.9281
LOC440461	0.0605792
ZEB1	4.39611
ZNF785	2.68046
WFDC3	0.158966
PRRT1	2.65517
DYRK3	16.352
TMX3	6.06481
RABL2B	7.13889
SLAMF7	0.42675
STK31	0.0630279
ZFP82	0.0151216
CXorf31	0.381699
PDE6B	0
MPZL2	0.0147565
PKIB	0.0931805
FHAD1	3.26185
EGFEM1P	0
ODF3L2	0.863543
WDR4	10.9232
NOXO1	0.608557
SYT2	0.0222144
TPGS1	28.4447
C1orf229	0.59003
TMEM40	0.184448
GPAT2	0.0934063
AGA	2.59005
CACNA1A	0
DAPP1	0
IL10RA	0.136645
SYNPO	0.437301
C9orf9	13.0062
LOC100527964	1.83191
AURKAPS1	0.786989
GGCT	47.0141
FAM65C	0
TCTN1	8.46551
SLFN5	1.63191
LOC100133612	0.130259
KCNIP2	0.332522
ZNF221	0.133497

GNAT1	0
C5orf4	0.0311999
ITGB1BP2	0.313094
VMO1	1.29892
SIPA1L3	3.91274
RSPH4A	0.152216
SDCBP2-AS1	0.356883
LRRC2	0.00754865
CYP4F11	0.164495
SNORD95	2048.13
RABGAP1L	3.16301
NPR1	0
ARGFXP2	0.0379817
BNIP3	0.0576439
GPR183	0
ADCY5	0.0626669
UPK3B	2.8555
ANKRD20A1,ANKRD20A3	0.00996692
FUT8-AS1	0.0260478
LOC100506123	1.02996
RMDN2	0.379672
MAPK15	3.25566
C16orf46	0.439289
COX10-AS1	1.74586
MCM7	158.813
NANOG	0.0237671
C14orf79	6.55818
ACSL5	0.0367618
LOC100505812	2.2151
TRIM69	0.45312
ST3GAL6	0
PAR5	0.0105829
SH2D2A	5.187
LOC158572	0.0438817
TTC3P1	0.156386
PFDN1	116.921
SPA17	7.85172
BBS1	3.93872
TMEM143	3.64933
LOC728084	0
AIFM3	0.86998
PSG9	0.0247486
SLC7A11	2.78297
F13B	0.0149729
SNAI3-AS1	1.79478
ACTR3C	0.722568
ATAD3B	53.6105
LOC152225	12.855
NAT2	0.0321358
STAG3L3	0.471289
PCDHB12	0.171889
C1orf54	0.506387
BTLA	0.0108305
IQCE	1.21532
LOC150197	0.336523
ZNF425	0.935116
FAM86JP	1.13305
LOC100288846	0.806359
PATL2	0.262816
SCARNA14	5.12819
FGF21	0
GZMM	0.386537
ERAS	0
DCDC2	0.885226
ZNF90	0.00923898
KIF5A	0.0120688
SNORD15A	7.59188
BRWD1-IT2	0.785234
LOC100130987	1.05502
LOC400927	1.03972
DHRS2	0.0951168
PLCH2	0.0442981
LAMB3	108.04
EMP1	56.1375
CYP4V2	1.39024
LINC00485	0.0111366
SEC61B	343.122
HYDIN	0.0820778
ARMC9	3.29917

FAM126A	0.0363083
IFT88	1.30124
PCDHB4	0.0408852
KIAA1755	2.13173
CARS	43.1042
LOC653712	0.242648
BMS1P6	0.00832929
GPR68	0.406274
ARHGEF37	0.516138
TGFBR3L	0.617438
CGB8	0.991579
SMIM16	0.0623876
NLRP11	0.439782
UBE2E1	79.107
CLYBL	0.702284
MARS	47.5806
PNMA2	0.0536401
FRMD4B	0.00769895
C1orf180	0.014687
PSAT1	96.9987
ARHGEF19	15.4669
TBX2	0.0518182
ZNF132	0.241262
SNORA38B	0
IDNK	4.05894
EGR2	0.15121
VAMP5	0.105701
ESR2	0.0279495
FBLL1	0.509189
ITGAX	1.33065
FCAR	0
SPTY2D1-AS1	0.0300282
NR4A2	0.458156
IAPP	0
LOC100294362	0.153017
PCDHB5	0
ATP5EP2	1.43471
HIST2H2AC	5.97064
CILP2	0.109178
ARHGAP30	0.0968041
LOC284751	0.429689
UCA1	18.3687
TNFSF4	0.0650972
H3F3C	0.0514476
AKNAD1	0.0511938
STK33	0.0132169
EPGN	0.0160397
IGFL2	0.107691
MFAP4	0
PNLDC1	0.0759682
PROSER2-AS1	0.0147189
TMEM9B-AS1	0.414603
C6orf163	0.184688
PSD3	0.0114946
CYP17A1	0.0527055
PCK2	87.0865
HNF4G	0.846054
ATP2C2	0.0662733
ARL4D	0.0371396
PPP4R1L	0.241059
CCRL2	2.20988
TMEM229B	0.478726
ZBED3-AS1	0.301757
KIF9	1.37103
LOC339166	0.0325588
NAPRT1	78.4361
FLJ42289	0.0378259
FKRP	3.62157
ST8SIA4	0
YJEFN3	4.29218
CTXN1	41.4228
APBA2	0.016228
HTATSF1P2	3.16125
FMO5	0.162774
C19orf80	0.0783632
C1orf116	0
SULF2	0.013238
FLJ30679	0.130646
LOC100272216	0.135281

ABCA4	0.00645507
C9orf172	1.02378
AACSP1	1.01349
DENND1C	0.348545
MREG	8.25671
RCHY1	5.64868
RSPH10B	0.0405194
ISPD	0.138531
XK	0.420551
EGR1	20.8096
ZCWPW1	1.69158
EBLN2	0.119965
SRPK3	0.0375414
LOC541473	0.936184
ORM1	0.0682225
RORC	0.0178709
PBLD	0.731427
RNF167	79.7763
CCDC116	0.11831
GLT25D2	0.816358
HBA1	0.183095
SPATC1L	0.088764
CTAGE7P	0.0714988
DDX11L2	0.608145
RABL2A	1.7373
ARHGEF4	0.0173331
NBPF11,NBPF24	0.033165
HDC	0.0184866
RASIP1	0.36679
LGALS8-AS1	0.949804
LOC100130452	0.142529
LOC100506343	0.0242207
SPON1	0.0514384
BBS12	1.1372
SH3BP5L	119.123
LINC00520	0.223162
C16orf45	0.145292
S1PR4	0.0677002
LOC100132356	0.342525
LOC100131089	6.17289
KRT19	0.055468
KRCC1	4.94763
DMBT1	0.0480554
LRFN1	0
NAGPA-AS1	0.0436877
CHN1	0.0821617
CASP1	0.186305
NKPD1	0.0155146
FAM149B1	2.40622
SLC28A2	0.0380579
G0S2	346.315
ZNF235	0.324902
ZNF672	192.676
NLRP1	0.320681
GRID2IP	0.016543
AK8	0.884347
TRIM66	0.736452
GAL3ST4	0.374977
C5orf60	0
CD79B	0.128054
HSD17B3	0.314147
IRX6	0.031737
LOC100505679	0.140943
GDPGP1	1.03642
MST1L	0.331018
MORN1	1.16408
TP53TG5	0.840148
CCT6B	2.07762
AEBP1	0.0149044
PARP12	10.2891
EGR3	1.70115
TTC30B	0.26793
ATP6V1B1	0.0337107
TSGA10	0.117577
LOC619207	0.0994141
SLC25A2	0.0348049
DLL3	0
SNORA27	28.8716
SENP8	1.88264

C17orf98	0.494712
ZNF665	0.0230781
LCT	0.0151167
GSTT2	1.17794
MAP6	0
FOSB	4.79821
CPEB1	0.0160813
PDZK1	0.0208715
SH2D5	0.625853
HFE	1.95515
DNAAF1	0
ST6GAL1	5.66344
SLC22A1	0.038485
SNORD22	86.2131
C16orf71	0.120079
FAM129C	0.214357
FAM90A25P	1.07347
SNORD17	3.59877
SERPIN8	8.87685
NME9	0.160162
LCN15	0.372845
ASAH2	0.0671368
RAB9A	12.8513
TMEM140	0.726899
MRPL42P5	0.780744
LNX1	0.156138
FAM66C	0.054994
FLJ35390	0.88343
TTC12	8.39283
MT1G	0.536607
C1orf101	0.0125826
CELF6	1.2065
C20orf203	0
ADAM20P1	0.15409
TAS2R5	0.644471
TMC4	0.864814
TREX2	0.565068
RAB37	0.124347
PLA2G4C	0.140744
HLA-DRB6	0.0848752
SLC16A6	0.584777
RBM26-AS1	0.320148
STS	0.288334
ARMCX4	0.32666
SLC6A4	0.065962
SSPO	0.029032
WDR66	0.211034
LEKR1	0.175164
SDC3	5.31181
TMEM134	40.8961
KLHDC7B	0.133103
EXOC3L2	0
UBAC2-AS1	0.456298
TEX2	3.11148
DNAH6	0.039618
FAM86B3P	2.41953
RAB40AL	0
SCFD2	1.75785
LOC399815	0.72387
CCDC144B	0.00388447
PPP1R36	0.0630307
HOXA6	0.389652
SLFN1-AS1	0.148379
SLC22A20	0.0774955
LOC286059	0.0633409
LOC440896	0.167671
SNORD8	27.7031
OPN3	0.268513
KLF7	0.0266129
ANKRD26P1	0.00611872
PRDM7	0.0133341
SEC1P	0
LOC256880	0.192721
BTBD18	0
FAM22D	0.224221
SNORA16A	0
BRWD1	2.05291
STARD8	0.0910069
CLHC1	0.519155

MMACHC	4.50387
INHBE	1.0888
MIR4461	7210.53
KCNH8	0.0953102
HRASLS2	0.081684
CCDC40	0.381669
SAMD13	0.185154
DQX1	0.0551228
SELPLG	0.422463
SNORA21	44.2485
MIR100HG	0
WNT8B	0.0328528
SP7	0.0365455
CCDC176	0.494704
ATP8B4	0.0473058
CDYL2	0.302054
ACTN3	0.020389
LSP1	0.0425188
GRAMD1B	0.116395
ZFP3	0.0480373
BMP8A	0.184672
SEC24B-AS1	0.482984
CCDC113	1.9753
CORO2B	2.48493
AKNA	6.20359
FLJ44313	0.57207
NDUFA4L2	2.72976
LOC100505676	0.0259303
RHCE	0.468147
OR7E37P	0.228684
ST13P4	0.15074
GJC3	0.0483108
ATP8B5P	0
LOC100134259	0.1228
LOC389247	0.361012
ZNF93	0.0755602
GPR82	0
PCDHB11	0.45644
ATP6AP1L	1.45454
GPR65	0.0264021
CASQ1	0
FGF5	1.17517
FKBP1B	0.0612726
CCDC62	0.185952
FAM86FP	2.26802
FRK	0.0136172
COL4A4	0.0211494
TCTE3	0.132187
JUP	0.0413606
CSF2	0.160484
SLC5A11	0.053087
AMOTL1	0.0912901
CALHM2	0.381792
KRT81	1.19596
FAM122C	0.766787
LAIR2	2.32906
GUSBP2	0.163059
NLRP6	0.0803919
OTUD7A	0.115395
GLB1L	0.928199
MIR663A	1075.98
RBPMS2	0.0698272
SLC4A8	1.64035
FLJ45513	0.069159
NEK5	0.297878
FGF1	0.042952
RPLP0P2	1.69176
LOC401127	0.0605387
RBMXL2	0.0637573
ITIH2	0.0124952
C15orf52	0.0665703
ASAH2B	0.166642
ANKRD30BP2	0.0339401
EP400NL	0.618423
CYP21A2	0.0700526
FAM166B	1.16894
LOC100506321	0.114752
LINC00629	0.0985468
ZNF648	0.015134

WISP3	0.0673055
LRRC37A	0.0562451
SLC2A14	0.0239365
SNORA40	33.9495
DNAH2	0.00351711
CEP19	0.760001
MLN	0.536909
IGF1	0.0054017
CARD14	0.183821
C6orf99	0.469139
AZGP1	0.216188
LOC339524	0.0433814
PA2G4P4	0.0287416
GLIS3	0.180645
SYCE2	1.43932
PP2D1	0.0342979
FLJ34208	0
CYP27A1	0.0305363
GTF2H2C,GTF2H2D	2.0278
GPR56	0.0166663
PTN	0.635681
ZNF492	0
PINLYP	1.26411
HGFAC	0
OSCP1	2.25696
GBP4	0.0130748
AK7	0.210952
METTL7B	3.10943
SH3TC2	0.182111
ZNF669	4.90476
CHST13	0.729847
CXorf48	0.0211336
LOC100131564	0.542841
COL9A3	22.4503
PHOSPHO1	0
SCARNA22	52.7519
MGC45922	0.407388
CHGB	0
SP140	0.237421
ANKRD36BP2	0
FAM86HP	1.39922
ARMCX1	0.120417
LINC00167	0.146078
AGBL2	0.0644898
SLC5A4	0.176379
RNU11	25.4199
VCX3B	0
DSCR9	0.0821197
LOC338817	0.0124388
LRR1Q4	0.130238
RAMP2-AS1	0.0699681
HSPA2	0
C9orf84	0
MAGOH2	0
MYOM2	0.0664162
AKR1B10	0
PCDHB19P	0.0484124
KRT20	0
BTBD8	0.0912584
BMS1P4	0.386771
SIGLEC7	0
PADI1	0.0772444
ABO	0.165355
TMEM31	0
ST8SIA1	0.00375559
C22orf26	0.472758
RSPH6A	0
SPDYA	0.169142
HVCN1	0.0282426
FRMPD2	0
TBC1D3G	0
ZAP70	0.20677
KIAA1210	0
CD207	0
TMEM204	0
ACE2	0
HUS1B	0.486435
SOX10	0
ZIK1	0.0147155

GLB1L3	0
TMEM221	0.330014
RPL31P11	0.0225491
BOC	0
ESPN	0
SMCR5	0
STAB2	0
LOC285889	0
ABHD1	0
GATM	0.58937
IKZF2	0.0561203
LINC00535	0.0995642
LOC387895	0.281653
SNORA52	32.7073
IL21R	0
C11orf42	0
C20orf195	0
ZNF610	0.059607
SCARNA9L	2.0464
CELF2	0
ASB16	0.316301
LOC101059948	0.567983
FOXE3	0
KLHDC1	0.118535
SH3RF3-AS1	0.121484
ESRG	0.134729
TEX38	0
SLED1	0
LOC100129083	0.362159
FGF9	0.495415
FOXA3	0
C5orf56	0.907115
CRIP1	0.937022
ZNF214	0.420555
RSPH10B2	0.0269796
GPRASP1	0.139168
TRIM31	0.0472244
GBAP1	1.94832
DENND5B-AS1	0.132337
SLA2	0.020278
FMN1	0.121015
IGDCC4	0.239343
SNORD47	513.539
TSGA10IP	0.68799
SPNS3	0.716343
APOBR	0.0285004
WDR16	0.129294
C17orf107	0.260495
C14orf182	0.0641804
RAB44	0
C5AR1	0.459177
CEACAM22P	0
GHRL	0.227723
GLT8D2	0.199096
P2RX6	0.0204537
DMC1	0.0157709
AP4S1	0.759835
L3MBTL1	0.357271
LOC643201	0.0675654
DFNB59	1.666
SLC26A7	0.0134493
IRGC	0.0590277
YY2	0.82454
EMR1	0.0176448
PLAC1	0.499647
AKR7A2P1	0.126259
LRRC37A3	0.0450687
SLC2A9	0.0615881
REG3A	0.0694893
PPP4R4	0.590422
GYLTL1B	0.0298997
AOX1	0.20334
COL20A1	0
SPATA25	0.310384
VSTM1	0.0564623
GRIK1	0.0531344
ANKDD1B	0.0316194
GALNT8	0.0211577
HEPHL1	0.0125439

LST1	0.121529
RPL23P8	0.216485
CCIN	0.0275706
LRRC43	0.0630179
SEZ6	0.0135731
PLEKHB1	0.028174
AGT	0.0216218
ARL10	0.0215089
HIST1H4C	3.24405
MYO1H	0.0194166
SOX6	0.00914717
ST8SIA6	0.0310409
LOC100132215	0.278627
SIX3	0.0302095
PTPN13	0.00908602
LOC285593	0.0250384
IL31RA	0.0440871
OR2H1	0
LEPREL1	0.0138458
IL10	0.0290824
CPO	0.0339165
TMCO2	0.0744241
LEMD1-AS1	0.0171881
SMIM17	0.264877
ZFPM2	0.00888836
ADH6	0
SNCAIP	0.624846
RGPD5,RGPD6	0.00512237
KRTAP2-3	1.58285
VWA7	0.0886912
SOX7	0.11839
GPM6B	0.0139333
DISC2	0.00849985
RAG2	0.0289421
CDH6	0.00435031
GSG1	0.0526978
FLJ36777	0.0368827
PLGLB2	0.0129738
C14orf23	0.0128798
DCDC2B	0.040008
RLTPR	0.050694
LOC100129534	0.715345
DCAF4L1	0.189296
LOC100507537	0.0607232
NLRC4	0.281512
BCAR4	0.474194
GPD1	0.168911
ACTL7B	0
SNORA50	5.02868
LY96	1.61136
HRNR	0.00545624
SCARNA5	3.13924
TAS2R19	0.11157
XAF1	0.0213423
GRAP2	0.0977884
ACTL8	3.48136
FAM154B	0.134692
RNF222	0.0191792
KIAA1407	0.359529
SNORA1	6.35035
HSPB9	0.142738
TMEM14E	0
MMP23B	0.103393
GRAP	0.0895268
COL2A1	0.0242936
LINC00242	0.337594
LOC494141	0.0207713
PRSS54	0.776585
DLG1-AS1	0.216907
FAM57B	0.294144
PRAM1	0.322563
CDH20	0.317007
CPNE9	0.0812518
C9orf24	0.16305
KCNT1	0.0151592
C3orf72	0.0246945
S100A3	9.08026
MATN4	0.0533145
FEZ1	0.0869071

AQP7P3	0.302461
CALCB	0.106241
STXBP6	0.985527
ALS2CR8	0.244599
MLANA	0
KRTAP4-7	0.294934
PTHLH	0
EPHX3	0.0734187
SMG1P1	0.0503303
ALDH3B1	0.0504181
ADCYAP1R1	0.0576025
PCAT1	0.130974
C15orf48	0.216636
PTPRVP	0.0147615
TPRG1	0
VN1R5	0
LOC338963	0.0419798
LPAR3	0.10011
SEMA4A	0.0179697
COL6A3	0.00551653
HSPA1L	0.187229
MRO	0
ARRDC3-AS1	0.0791155
PDZD9	0
C19orf38	0.522035
CDHR5	0.0407847
CABP7	0.101134
LGR6	0.0593371
MALL	0.0371342
ZNF426	0.047083
CNIH3	0.0241664
ZMAT1	0.151207
LOC100130301	0.095
MAP4K1	0.339074
ITIH5	0.01495
CCDC158	0.0400743
KCNJ10	0.0233874
PTPRM	0.0309684
FAM227A	0.181228
SAG	0.0295327
TNFSF13B	0.060464
MYLK-AS1	0.252584
LOC100128568	0.0961393
TRIML2	0.296823
UTS2D	0.0177325
LINC00507	0.052529
LOC100507156	0.010703
LOC283683	0.299998
TRIM55	0
LRRC46	0.343678
ANKRD31	0.0770501
MFAP2	0.594205
TEX12	0.154391
LINC00636	0
FAM153C	0.133563
ZNF853	0.0597133
HECW1	0.0690364
FAM196A	0
HSD52	0.312692
KLLN	0.309565
GTF2A1L,STON1,STON1-GTF2A	0.0240476
LRRN4CL	0.177208
DCDC5	0.00786802
GNG3	0.134292
KIAA0408,SOGA3	0.00715061
BDNF	0.105745
CCDC39	0.0170967
HLA-DMA	0.68793
KGFLP1	0.344382
ABCA12	0.00935413
TMEM132B	0.0154219
VWF	0.0121506
IL13	0.0845021
SPATA17	0.256848
CYP3A43	0.0583905
GSTM2	0.227418
TDRD6	0.0365766
NHS	0.0186659
PRSS57	0.180599

LCN1	0.0838607
TMEM173	0.190439
LINC00264	0.0504134
GRM2	0
GTF2IRD2	0.249143
PAPPA	0.00378861
LOC646903	0.164706
IGLON5	0.0186691
GP1BA	0.174814
ZNF880	0.0802428
C12orf70	0.124895
LOC653786	0.0167941
CD4	0.0533213
MIRLET7D	178.174
TTC25	0.0403945
HMG2P46	0
RENBP	0.426344
CFP	0.341395
LOC642366	0.0904414
DIO1	0.0251517
LPAR5	0.0540064
FLRT1	0.124513
TMEM253	0.789188
LG14	0.0488823
GRB7	0.212827
HLA-DMB	0.0687539
LOC100506368	0.346793
EME2	0.549026
PPIL6	0.568894
SNORA3	7.04928
SNORA65	11.0992
ADAM21	0.0995612
PTH2	0
PAEP	0.137534
POU5F1B	1.53811
ATF5	83.8843
RRN3P2	0.0945907
NUP210L	0.0194865
LIMS2	0.0834726
OR51B4	0.11097
ZNF835	0
TMEM169	0.0243978
KCND3	0.0995958
HCG4B	0.625411
KIAA1751	0
BCAS1	0.0121254
DNAJC9-AS1	0.0449962
SNORD33	0
TMC2	0
LOC100506385	0
MEIG1	0.0831234
FOXD3	0
SUSD4	0.503679
GLTPD2	0.139969
SYN1	0
APOL1	0.0960823
ANKRD63	0.155031
FBLN2	0.0160095
PIANP	0.0516726
IZUMO4	0.201771
GOLGA6C	0.00713543
CCDC65	0
WEE2	0
BEST3	0.844458
AIPL1	0
B3GNT8	0.0480147
EDN1	0
GPR22	0.0238822
FLJ40292	0
KCNC1	0.0202706
LOC440173	0.021459
SLC4A9	0.108267
KRTAP5-9	0.331382
APOA2	1.53331
CRYAB	0
KCNMB2	0
C2orf66	0.212748
HSD3BP4	0
SLC7A11-AS1	0.0173577

RAD21L1	0
DCD	0
PREX1	0.0597186
RYR3	0.0109225
IGFN1	0.0103858
LOC283731	0.0249725
KCNH6	0.319856
HHIPL1	0
SNORA31	19.9978
WDR78	0.268888
MACROD2	0.0242654
SLC15A1	0.0143505
LURAP1	0.0875877
TSNAXIP1	0.139454
GLT1D1	0.0381627
TMEM61	0
INHBC	0.127507
BATF2	0.669304
ERVV-1	0.0363185
CD3D	0.0686244
MYO1F	0.136171
CAMK2B	0.0624371
DNMBP-AS1	0.0153723
STAT4	0.056561
AMN	0.188176
C14orf178	0.106635
LOC284009	0
MTTP	0.0382482
LOC100506071	0
NBPF7	0.13518
TMEM89	0.37747
SLC35F1	0.017727
BIN2	0
LOC100507557	0.0468415
MATN2	0.0203866
ALDOB	0.10623
ABCA9	0.00591023
NUPR1	4.44826
LOC100506082	0.154963
WDR63	0.139203
KRT79	0.600743
SNORA11B	0
CPB2-AS1	0.0105494
LCE1B	0.195998
CYP4F2	0
SNORA71D	15.3991
TAL2	0.379083
C3AR1	0.248069
CACNA1G-AS1	0
C9orf152	0.0759603
C19orf59	0.0697526
PLVAP	0.026108
RFPL1-AS1	0.00819487
IQUB	0.0465665
OLFML2A	0.016895
SLC46A2	0
PABPN1L	0.0527686
HLA-DOB	0.262801
DPF3	0.163041
SCUBE2	0.0107159
LOC158435	0
EPN3	0.0175828
LOC100302640	0.394389
LOC100505624	0.188902
TAS2R43	0.0434671
SPI1	0.0648514
HCP5	0
HPD	0.0344172
SLC39A2	0.0760354
SMIM5	0.135579
WNT16	0.0280994
ZNF528	0.0479221
LDB3	0.0280934
ITGB7	0.177851
RIMBP2	0.007729
RSPH1	0.509035
STEAP1B	0
SLFN13	0.00448984
SLC22A9	0.0194871

BFSP1	0.465186
SUMO4	0.0656276
FOXP3	0.37431
MEP1B	0.0638682
CECR5-AS1	0.39549
CALN1	0.00463824
CHRM1	0
S100A1	0.409759
PHACTR1	0
C20orf26	0.0441085
EDAR	0
MINOS1P1	0.0320521
ZYG11A	0
PPIAL4G	0.200068
OCM	0.147616
MYCT1	0.0275664
CYP4F3	0.0156037
LINC00854	0
PLG	0.0343201
FAM71F2	0.0484644
ARHGEF38	0.0126787
BTBD19	0.0605645
KRTAP4-6	0.324689
MCAM	0
HGD	0.0440404
PLA2G10	0.0919272
LMX1B	0
LOC100132062,LOC100133331	0.0190231
ITGB2-AS1	0
NFASC	0.0231412
LOC100507299	0.0561096
LCE1F	0.684993
ZNF365	0.0102
LOC729059	0.135226
CNTN4	0.00737813
ADAM32	0.0286635
CHST11	0.0154686
SLC38A8	0.0593214
PLAC8	0.119094
ACER1	1.29257
SLC19A3	0.0110626
C6orf58	0.106167
FLJ46361	0.022366
BDNF-AS	0.494048
HIGD2B	0.112228
TMEM119	0.0411873
CCDC135	0.110958
SLC22A18AS	1.20326
GPR135	0.371488
LOC643723	0.0762606
NLRP14	0.0291587
RNF183	0.207522
LIN28A	0.010966
CASC1	0.0148459
CXADR	0.0259002
C4orf26	0.0237129
OR5K2	0.0516983
LOC101101776	0.41489
DLEU7-AS1	0
CCNI2	0.0492826
SAMD15	0.107001
NEFH	0
SNORA78	11.7091
NFATC2	0.00700798
XYLT1	0.0106256
NRN1L	0
PHEX	0.0294463
CFL1P1	0.0825278
EFCAB6	0.0542892
LOC100996455	0
STAB1	0.00849741
ZNF99	0.00437892
HTR2B	0.074648
NRAP	0.0078215
KRBA2	0.0401557
FOXN4	0.0176121
C15orf27	0.0521919
TPTE2P6	0.0306784
TAS1R1	0.0303789

MTUS2-AS1	0.221596
KCTD16	0.0144049
RD3	0
KRTAP3-3	0
PIP5K1P1	0.0216616
MYEF2	0.00700326
GPR98	0
CD8A	0.146099
NLRP12	0.0379748
LOC100505933	0.0730693
TAS2R10	0.0531286
SEMA5A	0
EXOC3L1	0.115053
ECT2L	0.16859
FCER2	0.241815
RNF133	0.0289726
RPS15AP10	0.142491
LOC401242	0
DSG3	0.0140863
DDX43	0.028596
RPGRI1	0.0100421
CCDC164	0.0168968
LOC100288842	1.23327
COL17A1	0.0181325
C6orf165	0.102081
LSAMP	0.0193255
IL15	0
WDR11-AS1	0.0318966
SOWAHD	0
LRRTM2	0.00654995
RNASE3	0.147954
OLFM2	0.080005
CGB5	0.520158
CHAD	0
KLF1	0
SSTR5-AS1	0
SNCG	0.164039
CELA1	0.128116
TRPV4	0
GPR61	0.0382963
ACPT	0.135821
NCF4	0.0903802
C21orf49	0.116024
SDC4P	0
FLT1	0
C14orf180	0.0374283
PDGFB	0
FLJ42102	0
LINC00592	0
TCEA3	0.0896627
LOC400558	0.055351
GAL3ST1	0.0578931
PRR23C	0.0422335
SCN4A	0.0280779
NOS2	0.0123101
SLFN14	0
EMR2	0
BCL6B	0
C21orf7	0.342571
METTL21EP	0
OR7E12P	0
GNRH2	0
PLB1	0.018769
TDRD12	0
CEACAM8	0
C3orf65	0.133234
PARK2	0.0588977
ASTL	0.0559186
PCBP3	0.0619067
LOC339894	0.0231189
FGF13	0
C16orf3	0.127442
SLC51B	0
MAB21L2	0
SCT	0
CGB	0.098903
CTAGE10P	0.0136559
CHADL	0.13095
AFAP1-AS1	0.0067906

PPL	0.0367646
RSAD2	0.011064
CD84	0.00485559
LOC100506776	0.0117121
CNTD2	0.0997938
CCBP2	0.0195574
SSC5D	0.0132363
FBLN7	0.0335469
ANPEP	0.0622922
DIRAS1	0.0164209
ROBO4	0.0497118
MPP4	0.0161598
SEMA3G	0.0232249
SGCZ	0.0394615
SLC22A13	0.0427503
MMP10	0.0686027
LINC00652	0.0927675
USP44	0
TEKT2	0
GCNT2	0.00872351
SLC39A5	0.0698194
SNORA36A	5.34471
GDF5	0
SNORA71C	5.28821
UPK1B	0
LOC100507244	0
SPATA4	0.112153
OLFML1	0.0147587
SLC26A8	0.0137894
LOC100129269	0.086923
MFSD2B	0
LRRC10	0.0189907
MT1H	0.275964
CD200R1	0.0498773
LILRB1	0.0723858
KRT222	0.370092
GSDMA	0
FBN3	0.00709693
PLK5	0.0433622
NR5A1	0.0449478
FLJ40852	0.0918898
PLEKHH2	0.00527359
PTPRG-AS1	0.0162992
CD200	0.0194037
UQCRBP1	0.051775
HOGA1	0.110005
ZNF671	0.0684363
TMEM176B	0.105576
C12orf50	0
TM6SF2	0.0928977
ZACN	0.0927176
CXorf58	0
PNLIPRP1	0.0629263
TNS4	0.0129635
CLDN20	0.03675
CEACAM1	0.0399847
NNAT	0
CHRM5	0
SNORA68	23.3407
MYBPC2	0.0888486
STON2	0.00574601
HSPB6	0.108501
MYO1A	0.0995807
STAC2	0
UOX	0.0248357
RUFY4	0.0195103
L1CAM	0
FLG	0.0064135
ITGA2B	0.019371
GPA33	0.0182259
LOC650368	0.124034
NARR,RAB34	0.220081
NRADDP	0.115863
LOC100240735	0.0629278
LOC100128573	0.139656
GJD4	0.0573948
CRSP8P	0.0774306
LOC100287072	0.0357257
SLC52A3	0

LINC00336	0.0979324
PRICKLE2-AS3	0.013854
LINC00161	0
AFF3	0.0111346
CXCR2	0.0168778
MILR1	0.189171
LOC348761	0.114912
PPP1R27	0.11217
IL12RB2	0.0343883
CCBE1	0.020303
FSIP1	0.0128372
LRRC4	0.0357475
CCR6	0.0768244
PHYHD1	0.0341236
CCM2L	0.164953
SYNPO2L	0.0270125
SNORA14B	13.8795
APOBEC3H	0.111421
RSPH9	0.362586
MSR1	0
FLT4	0.0300869
DSCR6	0
COL24A1	0.00549532
TSPAN18	0.0125941
LOC100128164	0
SLC13A4	0.0182899
SNORD55	0
LOC728989	0
TMIGD2	0.104066
NOX4	0.0184529
MC2R	0.010486
LINC00598	0
LOC100505817	0.0339535
OPCML	0.0124871
MIR637	0
SNORD83B	278.186
GDAP1L1	0.0437878
C1orf227	0.12396
CIB4	0
FAM179A	0.0182141
CCDC87	0.151423
HAS1	0.0489266
FAM223B	0
LOC100506274	0
ZNF667	0
NUGGC	0.0118563
PSD2	0.0117574
SPAG6	0
ZNF582-AS1	0.118327
MARCH4	0.0130637
CECR1	0.0178479
TEX40	0
LOC730227	0.0713692
SNAI2	0.0222829
MEIOB	0.0221552
PDZRN4	0.0124577
P2RX2	0.0415624
KCNMB4	0.00965652
FNDC7	0.0407838
FAM90A2P	0.0764322
PSG3	0.0433915
TMEM236	0.00752379
C10orf62	0.0844651
GRM6	0.00934085
NECAB2	0.423527
LOC145474	0.0213267
SAMD14	0.0703326
NODAL	0
KRT16	0.038949
GGTLC1	0.275238
PROK1	0.124427
ITGB8	0.00862296
GGNBP1	0.0555153
TBC1D3P2	0.0284222
TRO	0.0136442
INGX	0.113598
GUCY2C	0
PACRG	0.0336597
MEFV	0.0337712

GSTM2P1	0.0864274
PPARGC1A	0.0121365
KCNJ12,KCNJ18	0.0127749
SCRT1	0.0906312
TRAF3IP3	0
LOC100130451	0.0732528
DUOX2	0
FLJ46300	0.0159568
KRTAP3-2	0.430899
C12orf71	0.0565506
C21orf62	0.0307568
CD300C	0.0379911
INSC	0.0532754
NRXN2	0.199286
SPACA4	0.169971
SH2D6	0.169665
DHH	0.0499513
TNFRSF4	0
CCDC173	0.0469187
LDLRAD2	0.0169369
PCOLCE-AS1	0.0249329
LOC100133669	0
TMEM232	0.011015
LOC100131655	0.0450681
CLDN5	0
GRID1	0.0168574
KBTD12	0.0161578
PAPPA2	0.0305962
S100P	0.249444
WDR87	0
SNX29P1	0.241693
PCDH19	0.00534461
MESTIT1	0
TREM1	0.107441
KCNMA1	0
RPS2P32	0.0795777
CERS3	0.0112958
ADAMTS16	0.0201214
OGN	0.0131444
ANXA2P1	0.0610322
LOC100507066	0.109926
DMGDH	0.0365825
GPR1	0.0418157
CRB1	0.012014
BZRAP1-AS1	0.092229
LY6G6C	0
HCG11	0.00678538
SEMA3E	0.0182238
TIAM1	0.0137873
LOC388553	0.0471104
MAGEB2	0.444854
GPR39	0.108053
LOC100507173	0
TMEM156	0.125437
TBC1D3P1-DHX40P1	0.635752
ZFR2	0.0844718
MUC4	0
DDX11L1	0
CLCNKA	0
CDA	0
ALPL	0
NCMAP	0
TINAGL1	0
HCRTR1	0
FAM159A	0.135451
PRKAA2	0.00389077
LOC100131060	0.115657
IL23R	0
ST6GALNAC3	0
GIPC2	0
DNASE2B	0
FLJ31662	0.0132653
LOC643355	0.0142101
TDRD10	0.0283987
POU5F1P4	0.0543696
RXFP4	0
RAB25	0
RHBG	0
KCNJ9	0

VANGL2	0.0107609
FCGR2A	0.0177961
SNORA77	0
LINC00260	0.0375309
IL24	0
CR1	0.00488392
CAMK1G	0
HSD11B1	0.0317999
TGFB2	0.00730878
LINC00184	0.0171615
C1orf233	0
TTC34	0
SLC2A7	0
SPATA21	0.0275513
LOC339505	0
HTR1D	0
RUNX3	0
LAPTM5	0.0226621
COL16A1	0
DLGAP3	0.0249137
POU3F1	0
CYP4A11	0
C1orf141	0.0170882
PTPN22	0.0105713
AMPD1	0
REG4	0
FCGR1B	0
LINC00624	0
SCARNA4	0
ADAMTS4	0
FCGR3A	0
C1orf111	0
LOC400794	0
F5	0
SELL	0
SELE	0
SNORD76	0
ASTN1	0
ANGPTL1	0.00966433
NMNAT2	0
APOBEC4	0.0148932
FAM129A	0.0059155
LOC100131234	0
MYOG	0
IRF6	0
AKR1C3	0
LINC00707	0
GATA3	0
ZNF32-AS3	0
GLUD1P7	0.0104273
GPRIN2	0
LINC00595	0.142377
FFAR4	0.0260511
CYP2C9	0.0465779
TLX1	0
ELOVL3	0
PLEKHS1	0.0140962
ARMS2	0.069273
MIR4484	0
VENTX	0
TUBB8	0
LOC441666	0
LINC00842	0
ANXA8	0.026378
RBP3	0.0145631
CRTAC1	0
CALHM3	0
MMP21	0
LOC338651	0
ART1	0
OR5112	0.0546026
OR52D1	0
OR10A2	0.0639934
OR10A4	0
MRV11-AS1	0.235179
OR7E14P	0.0481029
LDHAL6A	0.0217644
FSHB	0
LOC221122	0

FAM180B	0.0400691
MS4A7	0
SLC22A10	0
TBC1D10C	0
SHANK2-AS1	0.0195297
SHANK2-AS3	0
FAT3	0
FOLR4	0.0830833
C11orf53	0
CXCR5	0.0211971
PDZD3	0
GRIK4	0
PANX3	0
FLI1	0.0129339
ADAMTS15	0
HBB	0
ASCL3	0.116722
PLEKHA7	0.0110825
MUC15	0.0228477
DCDC1	0
ELF5	0
MYBPC3	0
DKFZP434K028	0
SNORD31	0
GAL3ST3	0.0199956
TBX10	0.0386641
MRGPRD	0
PHOX2A	0.0726015
P4HA3	0
TENM4	0.003537
SNORD6	997.2
TRPC6	0.00886127
MMP7	0
MMP3	0
GUCY1A2	0.00228885
LOC100131626	0.115719
SCN3B	0
RIMKLB	0
H1FNT	0
ARHGEF25	0
SYT1	0.0161082
OTOGL	0.00417531
PLEKHG7	0
RPH3A	0
DTX1	0.0226912
MIR3908	0
FLJ37505	0
GPR133	0.0202881
LOC100271702	0.0273523
ANO2	0.0384228
AICDA	0
TAS2R13	0
TAS2R50	0.0477804
PRB3	0
SLCO1A2	0.00484861
FAM186A	0
KRT73	0
KRT1	0
CMKLR1	0
NOS1	0.00427144
HCAR3	0.0240049
SPERT	0.048633
MLNR	0.113505
FAM124A	0.0103443
NALCN-AS1	0
GPR12	0.00902116
LINC00571	0
KCTD4	0
CPB2	0
LINC00563	0
LECT1	0
POU4F1	0
LINC00410	0
RNASE2	0
NYNRIN	0.00698297
SSTR1	0
PLEKHD1	0
SLC24A4	0.00969629
SNORA28	0

TDRD9	0
MYH6	0.00883359
PRKD1	0.0117407
EGLN3	0
OTX2	0.0211498
SLC35F4	0.0540438
SNORA79	10.5495
NPAP1	0
SNRPN,SNURF	0.0410784
PAR-SN	0
FGF7	0.00903062
SCG3	0
LDHAL6B	0
CYP1A2	0.0175962
LOC646938	0
SH3GL3	0.0251468
SV2B	0
ULK4P1,ULK4P3	0
PPP1R14D	0.0862636
PLA2G4E	0.0102754
BCL2L10	0
CILP	0.0101737
STRA6	0
LINC00597	0.0241561
TMC3	0
PRR25	0
SYT17	0
ACSM5	0.0207654
VWA3A	0
FLJ21408	0.0904005
CD19	0
SNORA30	0
NOD2	0.0122721
MT1A	0
GPR97	0
CLEC18C	0
CDH13	0.0115414
FOXC2	0
IL17C	0.078005
LINC00235	0.277588
PTX4	0.122166
ERN2	0.0508171
LOC388242	0
CSDAP1	0
CNGB1	0.00911588
CDH11	0.0111036
DPEP2	0
TUSC5	0
GUCY2D	0
ALOX15B	0
SNORD65	0
KRT16P1	0
GRAPL	0
SNORD4B	769.081
MIR4523	0
LHX1	0.0205264
IGFBP4	0
CD300LG	0
IGF2BP1	0
ABI3	0.0303502
MYCBPAP	0
EPX	0
C17orf64	0.0611304
SNORD104	0
SOX9	0.015651
OTOP2	0.0316573
P2RX1	0
GGT6	0
CDRT15	0
FAM106A	0
EPN2-AS1	0
KRT16P3	0
KRT18P55	0
OMG	0
GAS2L2	0
C17orf66	0
TBC1D3H	0
HNF1B	0.0200166
LOC284100	0

NEUROD2	0.0309883
KRT12	0
KRTAP1-1	0
KRT42P	0.0187787
TAC4	0.123624
DLX3	0
MIR3064	1930.67
SDK2	0
BTBD17	0
FOXJ1	0.0296642
NPTX1	0
LOC100130370	0
GREB1L	0.0069719
SIGLEC15	0
ST8SIA3	0.00373368
SERPINB5	0
DLGAP1	0
SLC25A52	0
SNORD58A	0
GRIN3B	0
CREB3L3	0
FSD1	0
CLEC4GP1	0.0342084
CASP14	0.0144788
F2RL3	0
NCAN	0
CD22	0
LOC644189	0
ZNF570	0.0181123
LOC644554	0.0463185
CYP2G1P	0
IGSF23	0.0546434
CGB2	0
SNAR-F	24.0838
GPR32	0
KLK3	0
ZNF818P	0.01277
TTYH1	0.0895071
LILRA2	0
TMEM190	0
ZNF542	0
ZFP28	0
ZNF304	0.00850555
TUBB4A	0.0319831
CD70	0
PTGER1	0.126919
PRODH2	0
RASGRP4	0.0235772
CYP2A6	0
CXCL17	0
PGLYRP1	0
PTGIR	0
GNG8	0.785966
CABP5	0.0278506
TULP2	0
KLKP1	0
KLK7	0
SIGLEC14	0
ZNF677	0
LILRA5	0
TMEM150B	0.0920279
ZSCAN5B	0.0902916
SNTG2	0
VSNL1	0.0216313
DPYSL5	0.0107088
TRIM54	0
LBH	0.0181767
QPCT	0
TMEM247	0.123208
ARHGAP25	0.015761
C2orf78	0
LOC284950	0
IL1RL1	0
IL18RAP	0.0145987
C2orf40	0
RNU4ATAC	9.64205
PROC	0
CCDC74B-AS1	0
AMER3	0

SLC4A10	0
LOC100506134	0
B3GALT1	0
SATB2-AS1	0
TUBA4B	0.0377521
LOC151484	0
AQP12A	0
AGXT	0
CYS1	0
OTOF	0
XDH	0.00734833
CDKL4	0
FLJ16341	0
RGPD1,RGPD2	0
FABP1	0.0942972
LOC442028	0.0152976
ADRA2B	0.0195749
TUBA3E	0.0393827
LYPD1	0
ZNF385B	0.0315696
HECW2	0.00586369
DIRC3	0.00971841
EPHA4	0.00625723
FAM124B	0.019765
GPR55	0
NMUR1	0
C2orf54	0.0488022
OXT	0
SNAP25	0.0204319
OTOR	0
CST7	0
HCK	0
LOC100287792	0
SLC32A1	0
HNF4A	0.0109019
RBPJL	0
WFDC2	0
SLC12A5	0
LINC00494	0
LINC00658	0
CD93	0
GHRH	0
MAFB	0
GTSF1L	0
KCNS1	0.011939
KCNQ2	0.0288662
CHODL	0
GRIK1-AS1	0
B3GALT5	0.0177413
IGSF5	0.0424668
ZNF295-AS1	0.0669487
ABCG1	0
COL6A2	0
ADAMTS5	0
CBS	0
DNMT3L	0.0395484
KRTAP10-1	0
KRTAP10-2	0
FTCD	0
UPB1	0
CRYBA4	0
SLC5A1	0.0173544
CSF2RB	0
MGAT3	0
WBP2NL	0
ANKRD62P1-PARP4P3	0
TUBA3FP	0
GSTTP1	0
LOC100128531	0.0648102
SYN3	0.035304
A4GALT	0
MLC1	0
MLH1	0
MOBP	0
ZNF662	0
FAM198A	0
CCR5	0
CCDC36	0
SLC38A3	0

GPR62	0
ITIH1	0
TMEM30C	0.194161
CCDC54	0
SIDT1	0
NR1I2	0
ARGFX	0
FBXO40	0
CCDC37	0
TRH	0
ALG1L2	0.0642256
C3orf79	0.0908317
C3orf80	0
ARL14	0.0297787
EPHB3	0
FETUB	0
LOC100507391	0
FANCD2OS	0
DAZL	0
XIRP1	0
XCR1	0
PRSS50	0.0504078
SPINK8	0
IQCF1	0
ERC2	0
CADPS	0
IGSF11	0
DNAJB8	0.0243141
GATA2	0
SNORA7B	0
SNORA58	0.608216
PLSCR2	0
GPR87	0.0862104
SERPINI2	0
KLHL6	0.00676189
LIPH	0.0164219
ATP13A5	0
LOC100131551	0
ZDHC19	0.0558415
SORCS2	0.0103565
C4orf19	0.0108743
RHOH	0.0485908
STAP1	0
ENAM	0
NPFFR2	0
ALB	0.0194841
CXCL13	0.0347547
ANXA3	0
LOC100505702	0
LOC100506035	0.0199613
MYOZ2	0.0136832
ADAD1	0
POU4F2	0
LRAT	0.00778796
FAM92A1P2	0
STOX2	0
TRIML1	0.0285581
ZNF518B	0.00541128
TLR10	0.010348
GABRG1	0
UGT2A1,UGT2A2	0
SLC10A6	0.0323082
COL25A1	0.00822995
SPOCK3	0.0131692
CLDN24	0
LOC731424	0
TTC23L	0
GHR	0
DDX4	0.0155315
C5orf64	0
CKMT2	0
LOC728342	0
FAM170A	0.0349364
GRAMD3	0
C5orf48	0
SLC25A48	0.112798
LOC100505658	0
MIR143,MIR143HG,MIR145	0
SLC6A7	0

SGCD	0
TENM2	0.00486113
SLC6A3	0.0159076
LOC442132	0.0221968
CDC20B	0.0332622
PLK2	0.0151857
OTP	0
MEF2C	0.00610195
PCSK1	0
MGC32805	0
FSTL4	0
LOC389332	0
ECSCR	0
NR3C1	0
EBF1	0.00866192
GMCL1P1	0.013726
FOXC1	0
C6orf201	0
HULC	0
TRIM40	0.0248651
C6orf25	0
GUCA1A	0
GPR115	0
FAM83B	0.00572493
NKAIN2	0
ARG1	0
QKI	0.012476
SMOC2	0
MYLK4	0
CAGE1	0
LINC00518	0
FAM65B	0
HIST1H3I	0
SNORD117	476.363
HLA-DPA1	0.0265898
DLK2	0
IL17F	0.0736273
GCM1	0
LGSN	0
LINC00472	0.0163869
COL12A1	0
SRSF12	0.0110637
BACH2	0.00490276
OR2A4	0
MOXD1	0
IPCEF1	0
LPA	0
CYP2W1	0.0422843
TFAMP1	0
LOC100506497	0
ABCA13	0.00226492
PMS2L2	0
MAGI2-AS3	0
GRM3	0
RUNDC3B	0
LMOD2	0
FSCN3	0.0288608
LOC407835	0.0923728
CPA2	0.0331874
RAB19	0
OR2A1	0
CNTNAP2	0.00414067
CRHR2	0
DPY19L2P1	0
INHBA	0
NUPR1L	0
NCF1C	0
GATSL2	0.0705287
PMS2L2	0
CCL26	0.11745
CALCR	0.0119579
CYP3A4	0
RELN	0.0034062
OR2A1	0
LOC157273	0.0116962
SFTPC	0
PIWIL2	0.0121395
SOX17	0
LOC286184	0

ATP6V0D2	0
SDC2	0.0127809
FAM150A	0.0498361
LOC286186	0
FABP12	0.140819
CDH17	0.0104011
NCALD	0.0118536
CSMD3	0
CCDC166	0.120972
MIR1234	0
GLIS3-AS1	0
TEK	0
ANKRD18B	0
FAM189A2	0
MAMDC2	0
OR1Q1	0
GPR21	0
TTC16	0
ADAMTSL2	0
LOC100128593	0
FLJ35024	0.0657337
C9orf92	0
LOC653501.ZNF658B	0
TMEM252	0
TRPM3	0.00748824
GNA14	0
RASEF	0
OMD	0
BARX1	0
FAM22F	0
MIR3911	0
LOC100288814	0
TLR7	0.00777033
GRPR	0
MAGEB10	0
NYX	0.0323296
GPR173	0
SNORA11	0
OTUD6A	0
PCDH11X	0
FAM133A	0
TMEM35	0
TCEAL2	0
PIH1D3	0
ZCCHC16	0
SH2D1A	0.0159581
FMR1NB	0
MAGEA8	0
MAGEA4	0
OPN1LW	0.0555918
VCX3A	0
BEND2	0
LOC729609	0
MIR221	0
RGAG4	0
NAP1L2	0
RPS6KA6	0.00428905
TCEAL5	0.0368801
COL4A6	0
TRPC5	0
SNORA69	0
IGSF1	0.00977318
SPANXE	0.209055
MAGEA10,MAGEA10-MAGEA5,M	0
MPP1	0
RAB39B	0.0109994
UTY	0
RBP7	0
PADI4	0
VWA5B1	0
CD52	0
THEMIS2	0
GJB5	0
SNORD46	0
BSND	0
PCSK9	0
IFI44	0
CLCA1	0
SRG7	0

SLC6A17	0
CHIAP2	0
HSD3B2	0
LCE1D	0
LENEP	0
DCST1	0
SLAMF8	0
FCGR2C	0
FCRLA	0
FAM163A	0
CFHR1	0
PTPRC	0
GPR25	0
PKP1	0
LOC641515	0
LAX1	0
CNTN2	0
IL19	0
LINC00538	0
FAM177B	0
MIXL1	0
C1orf95	0
SLC35F3	0
LOC100506810	0
SDCCAG8	0
TP73-AS1	0
NPPB	0
MYOM3	0
C1orf172	0
HEYL	0
EDN2	0
C1orf210	0
TAL1	0
SLC1A7	0
CDCP2	0
LINC00466	0
INSL5	0
PTGER3	0
GBP1	0
C1orf194	0
MYBPHL	0
LRIF1	0
ADORA3	0
VTCN1	0
GJA5	0
S100A5	0
KCNN3	0
C1orf61	0
SCARNA3	0
SEC16B	0
NPHS2	0
TEDDM1	0
B3GALT2	0
GOLT1A	0
LOC284578	0
MIR29C	0
CD34	0
LOC100506795	0
MRC1	0
LINC00839	0
RET	0
FXYD4	0
CTSL1P2	0
WDFY4	0
MSMB	0
FAM133CP	0
SH2D4B	0
MARK2P9	0
CYP2C19	0
ADRA2A	0
HABP2	0
PNLIPRP2	0
PRAP1	0
LINC00704	0
SFMBT2	0
CCDC3	0
NEBL	0
ARMC4	0
RASGEF1A	0

HNRNPA3P1	0
HNRNPA1P33	0
GDF2	0
VSTM4	0
PLA2G12B	0
DUSP13	0
SFTPA2	0
DYDC1	0
FAS-AS1	0
BLNK	0
CPN1	0
AFAP1L2	0
GFRA1	0
KRTAP5-6	0
KCNQ1DN	0
TRPC2	0
OR52I1	0
OR52B6	0
OR56B4	0
OR2D3	0
SYT9	0
F2	0
OR10V2P	0
MS4A10	0
ZP1	0
CD6	0
KCNK4	0
SNX32	0
CTSW	0
TMEM151A	0
C11orf86	0
KRTAP5-7	0
LOC100129216	0
P2RY6	0
C11orf70	0
ELMOD1	0
NNMT	0
CD3G	0
TTC36	0
UPK2	0
DDX25	0
NTM	0
LOC100128239	0
IFITM5	0
KRTAP5-2	0
HBD	0
UBQLNL	0
OR2AG2	0
OR6A2	0
LOC283299	0
USH1C	0
PTPN5	0
SYT13	0
SNORD29	0
LOC100130348	0
ANGPTL5	0
CASP5	0
SCN2B	0
AMICA1	0
TREH	0
THY1	0
CLMP	0
PATE2	0
KIRREL3	0
ADAMTS8	0
CLEC4D	0
A2ML1	0
C12orf39	0
PCED1B	0
OR8S1	0
LOC255411	0
ACVRL1	0
LOC100240734	0
IRAK3	0
LOC100507206	0
CACNA2D4	0
CLECL1	0
CLEC7A	0
KLRC2	0

TAS2R30	0
BCAT1	0
LALBA	0
SNORA2A	0
SNORA2B	0
WNT10B	0
FAIM2	0
LOC283403	0
KRT83	0
KRT85	0
KRT4	0
GPR84	0
APOF	0
SVOP	0
SDS	0
HNF1A-AS1	0
GALNT9	0
SGCG	0
WASF3	0
RXFP2	0
FREM2	0
OR7E156P	0
POU4F1-AS1	0
GPC5	0
MYO16	0
COL4A2	0
F7	0
ANKRD20A19P	0
LINC00426	0
LINC00330	0
SIAH3	0
PCDH8	0
COL4A1	0
OR11H4	0
ECRP	0
NPAS3	0
INSM2	0
DACT1	0
PRKCH	0
LINC00238	0
RDH12	0
GALNT16	0
NRXN3	0
LOC283587	0
FOXN3-AS2	0
CHGA	0
SERPINA3	0
PLD4	0
OR11H2	0
KLHL33	0
RNASE11,RNASE12	0
SNORD9	0
ADCY4	0
TRIM9	0
TBPL2	0
SIX1	0
SLC10A1	0
DIO2	0
LINC00341	0
GOLGA8EP	0
DKFZP434L187	0
ATPBD4-AS1	0
DCAF13P3	0
NR2E3	0
LOC729739	0
LMAN1L	0
ISL2	0
C15orf26	0
UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	0
ASB9P1	0
LOC145820	0
NBEAP1	0
GOLGA8DP	0
OCA2	0
ACTC1	0
GPR176	0
PLA2G4D	0
DUOXA1	0
TNFAIP8L3	0

ONECUT1	0
IGDCC3	0
ITGA11	0
LOC91948	0
HBZ	0
C16orf11	0
NHLRC4	0
C16orf96	0
SEC14L5	0
CIITA	0
TNFRSF17	0
PRKCB	0
ITGAL	0
MIR762	0
ITGAD	0
GNAO1	0
CCL22	0
VAT1L	0
RPL3L	0
PRSS33	0
PRSS30P	0
SEPT12	0
C16orf89	0
C16orf54	0
ZNF423	0
SNX20	0
LOC283867	0
PKD1L3	0
ATP1B2	0
DNAH9	0
MEIS3P1	0
FAM106CP	0
CRYBA1	0
DPRXP4	0
SPACA3	0
UNC45B	0
G6PC	0
MYL4	0
NGFR	0
NXP3	0
TCAM1P	0
CACNG4	0
CACNG1	0
CD300A	0
ITGB4	0
ATP2A3	0
SLC52A1	0
SLC13A5	0
TEKT1	0
CCDC42	0
GAS7	0
MYH1	0
ZNF287	0
EVI2A	0
TBC1D3B	0
TBC1D3C	0
KRTAP2-2	0
KRTAP4-11	0
KRTAP4-5	0
HCRT	0
MEOX1	0
PPY	0
PYY	0
HSF5	0
NACA2	0
MIR5047	0
CD300E	0
FLJ45079	0
AQP4-AS1	0
WBP11P1	0
SLC14A2	0
SLC14A1	0
RAB27B	0
ZNF532	0
SERPINB2	0
CDH2	0
CELF4	0
SNORA37	0
LINC-ROR	0

ALPK2	0
CD226	0
AZU1	0
CLEC4M	0
MIR181D	0
RLN3	0
SLC5A5	0
FXYD3	0
HAMP	0
FFAR2	0
UPK1A	0
OVOL3	0
NCCRP1	0
LOC100129935	0
CYP2S1	0
TEX101	0
APOC2,APOC4	0
CCDC155	0
LOC100507003	0
SNORD35A	0
CACNG6	0
NLRP8	0
USP29	0
C19orf77	0
PTPRS	0
FUT6	0
MBD3L3	0
COL5A3	0
LYL1	0
SLC1A6	0
CIB3	0
CPAMD8	0
NXNL1	0
ZNF682	0
ZNF626	0
ZNF208	0
ATP4A	0
UPK1A-AS1	0
PSG11	0
PSG4	0
CKM	0
IGFL4	0
PNMAL1	0
MIR3191	0
NKG7	0
LIM2	0
SIGLEC5	0
LOC284379	0
PEG3,ZIM2	0
RPL23AP32	0
MEIS1	0
CTNNA2	0
GNLY	0
ITPR1PL1	0
IL1R1	0
GPR45	0
IL36G	0
RAB6C	0
KYNU	0
PABPC1P2	0
KIF5C	0
KCNJ3	0
UPP2	0
DHRS9	0
KLHL41	0
HOXD13	0
FSIP2	0
AOX2P	0
CTLA4	0
SNORA41	0
DES	0
COL4A3	0
CHRND	0
LOC643387	0
PXDN	0
LOC645949	0
CYP1B1	0
C2orf91	0
OXER1	0

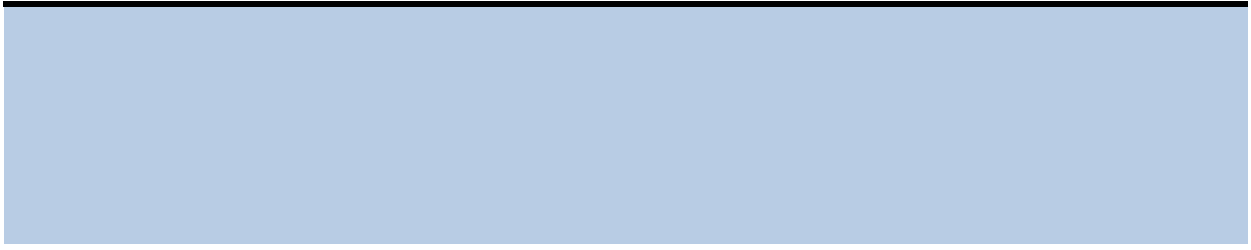
ABCG5	0
UNQ6975	0
TSPYL6	0
DBIL5P2	0
LOC400958	0
SNORA36C	0
ADD2	0
TACR1	0
LYG2	0
ST6GAL2	0
LOC729121	0
IL1A	0
LOC100216479	0
WTH3DI	0
LOC401010	0
LOC100144595	0
SCN3A	0
CFLAR-AS1	0
ERBB4	0
CXCR1	0
FEV	0
CCDC108	0
SCG2	0
LOC151475	0
SNORA75	0
MIR4440	0
MGC16025	0
OTOS	0
SNORD110	0
UBOX5-AS1	0
ISM1	0
PCSK2	0
SLC24A3	0
LBP	0
SNORA39	0
WISP2	0
PI3	0
WFDC10A	0
LOC100131496	0
CASS4	0
APCDD1L-AS1	0
CDH26	0
LOC284757	0
LOC63930	0
LOC100144597	0
MYT1	0
RSP04	0
FOXS1	0
PXMP4	0
HMGB3P1	0
FAM83C	0
SNORA71B	0
JPH2	0
WFDC5	0
PTGIS	0
GCNT7	0
BMP7	0
LINC00029	0
MIR3648	0
ABCC13	0
LINC00189	0
MRAP	0
DSCR8	0
KCNJ15	0
LINC00158	0
KCNE1	0
RUNX1-IT1	0
LOC100133286	0
LINC00479	0
LINC00163	0
COL18A1-AS2	0
SERPIND1	0
LOC400891	0
GGTLC2	0
RFPL3	0
CYTH4	0
RIBC2	0
ADM2	0
XKR3	0

MIR648	0
LOC284865	0
ZNF280A	0
POM121L1P	0
CES5AP1	0
GSTTP2	0
TMEM211	0
C22orf24	0
SHISA8	0
ATP5L2	0
C22orf34	0
IL17REL	0
LINC00312	0
SLC6A1	0
TPRXL	0
FGD5	0
ITIH3	0
FRG2C	0
EPHA3	0
PARP15	0
SLC35G2	0
ESYT3	0
LINC00578	0
AHSG	0
ADIPOQ	0
CLDN16	0
EGOT	0
BHLHE40-AS1	0
LMCD1-AS1	0
THRB	0
EPM2AIP1	0
CX3CR1	0
LARS2-AS1	0
DNASE1L3	0
KY	0
A4GNT	0
PRR23A	0
PLSCR4	0
FAM194A	0
CLRN1	0
WDR49	0
SLC7A14	0
SPATA16	0
C3orf70	0
TPRG1-AS2	0
OPA1-AS1	0
LOC402160	0
NSG1	0
C4orf6	0
PCDH7	0
NSUN7	0
C4orf40	0
EREG	0
SPP1	0
SLC25A31	0
HHIP	0
C4orf51	0
PRSS48	0
LOC100505989	0
TRIM60	0
ZFP42	0
MIR548I2	0
LOC344967	0
BEND4	0
YIPF7	0
COX7B2	0
IGFBP7	0
TMPRSS11D	0
IGJ	0
SOWAHB	0
SPARCL1	0
STPG2	0
PCNAP1	0
NEUROG2	0
FAM198B	0
FSTL5	0
TRIM61	0
LOC100506085	0
HPGD	0

LOC728175	0
FRG2	0
ROPN1L	0
OSMR	0
NIM1	0
FST	0
PART1	0
PMCHL2	0
NCRUPAR	0
SNORA13	0
MIR3661	0
AFAP1L1	0
IRGM	0
GRIA1	0
EFCAB9	0
HMP19	0
HRH2	0
LOC100132062,LOC100133331	0
IRX4	0
LOC729506	0
UGT3A1	0
RANBP3L	0
PLCXD3	0
SEPP1	0
LOC100652772	0
LOC647859	0
SNORA47	0
ACOT12	0
LINC00461,MIR9-2	0
POU5F2	0
LOC100133050	0
C5orf63	0
LOC340074	0
VTRNA2-1	0
KLHL3	0
MZB1	0
NRG2	0
CD14	0
FNDC9	0
PFN3	0
BMP6	0
ELOVL2-AS1	0
HIST1H3A	0
TRIM15	0
TNF	0
CFB	0
TSPO2	0
SPATS1	0
KCNQ5	0
FAM26F	0
FAM26E	0
GJA1	0
FABP7	0
SMLR1	0
SLC35D3	0
PLEKHG1	0
VIP	0
SLC22A3	0
LOC100507194	0
FAM217A	0
GCM2	0
HIST1H1B	0
HIST1H3J	0
PSORS1C3	0
NCR3	0
CLPS	0
PRPH2	0
CLIC5	0
GPR110	0
ELOVL5	0
IMPG1	0
SNORD50A	0
GJB7	0
GABRR2	0
METTL24	0
NMBR	0
LOC729176	0
PRR18	0
ABCB5	0

LOC100506178	0
ADCY1	0
LINC00525	0
CDC14C	0
SNORA15	0
NCF1B	0
WBSCR28	0
MIR590	0
CD36	0
AZGP1P1	0
MUC17	0
COL26A1	0
FOXP2	0
CFTR	0
ASB15	0
FAM71F1	0
C7orf45	0
TMEM213	0
PRSS1	0
GIMAP2	0
GIMAP1,GIMAP1-GIMAP5,GIMAF	0
ABP1	0
MMD2	0
ZNF890P	0
DGKB	0
SOSTDC1	0
KIAA0087	0
MIR196B	0
SNORA9	0
SNORA5A	0
SNORA5C	0
SNORA5B	0
TNS3	0
GTF2IRD2P1	0
LOC100093631	0
SGCE	0
TMEM130	0
CYP3A7,CYP3A7-CYP3AP1	0
OR2AE1	0
MIR25	0
ACTL6B	0
MYL10	0
SLC26A5	0
SLC26A4-AS1	0
SLC26A3	0
ASZ1	0
OR6W1P	0
OR2A20P,OR2A9P	0
ATP6V0E2-AS1	0
CRYGN	0
CNPY1	0
VIPR2	0
PRSS55	0
DEFB135	0
SMIM18	0
FAM110B	0
C8orf34	0
STMN2	0
BAALC	0
CTHRC1	0
RIMS2	0
TG	0
FAM203A	0
DEFA6	0
DEFA5	0
USP17L3	0
DEFB136	0
DOK2	0
MIR320A	0
STMN4	0
SCARA5	0
PURG	0
ANK1	0
DKK4	0
PXDNL	0
ST18	0
PRDM14	0
DCAF4L2	0
GDF6	0

C8orf56	0
LOC100499183	0
SNTB1	0
KLHL38	0
LYNX1	0
DDX11L5	0
IFNA8	0
FLJ35282	0
KIAA1045	0
HRCT1	0
FAM27C	0
LOC100133920	0
PGM5	0
GDA	0
NTRK2	0
C9orf47,S1PR3	0
ACTL7A	0
ORM2	0
OR1L6	0
GFI1B	0
LOC100130954	0
RNF224	0
CACNA1B	0
TUBBP5	0
FLJ41200	0
FAM154A	0
SLC24A2	0
IFNA17	0
CNTFR	0
IGFBPL1	0
LOC286297	0
BANCR	0
APBA1	0
ALDH1A1	0
LOC340508	0
TNFSF15	0
ANGPTL2	0
C9orf50	0
CXorf28	0
VCX	0
GLRA2	0
MAGEB6	0
CXorf22	0
CHDC2	0
GPR34	0
PAGE4	0
PAGE2	0
KLF8	0
HEPH	0
AR	0
ARL13A	0
RGAG1	0
AGTR2	0
ZCCHC12	0
MAML1	0
CSAG1	0
BGN	0
ATP2B3	0
GPR64	0
ZFX-AS1	0
ARX	0
FTH1P18	0
CXorf36	0
PCSK1N	0
ALAS2	0
SPIN2A	0
AWAT2	0
P2RY4	0
IL2RG	0
POF1B	0
TCEAL6	0
TEX13B	0
CAPN6	0
DCX	0
LINC00633	0
CT45A5	0
FMR1-AS1	0
MAGEA12	0
SMIM9	0



Supplemental Table 3a. Analysis of genes that are differentially expressed in control shRNA expressing HT-29 cells as a result of infection.

gene_id	gene	locus	Uninfected 1/2hr - time 0		log2(fold_change)	q_value
			c0	c5		
XLOC_008678	LDHD	chr16:75145757-75150670	4.62273	1.16223	-1.99185	0.00134142
XLOC_010137	CYP4F35P	chr18:14337421-14342523	0.350662	0.103307	-1.76315	0.0459324
XLOC_003613	NEAT1	chr11:65190268-65194003	66.3176	22.5857	-1.55398	0.00134142
XLOC_001755	ANKRD20A12P	chr1:142697420-142713605	0.655425	0.228543	-1.51997	0.0288382
XLOC_007705	NRG4	chr15:76234327-76304785	0.518903	0.18288	-1.50457	0.0386414
XLOC_017426	SYNPO	chr5:149980641-150038795	0.524608	0.185765	-1.49776	0.00509212
XLOC_016722	ATP8A1	chr4:42410391-42659122	0.41728	0.14823	-1.49318	0.00134142
XLOC_016875	CENPE	chr4:104026962-104119566	0.535614	0.193499	-1.46887	0.00134142
XLOC_008923	MTRNR2L1	chr17:22022436-22023991	1.0828	0.398709	-1.44135	0.0274653
XLOC_022336	CA9	chr9:35673914-35681154	281.359	104.024	-1.4355	0.00134142
XLOC_001333	KIF17	chr1:20990506-21044317	0.89589	0.332878	-1.42833	0.0120701
XLOC_020601	AKAP9	chr7:91570188-91739987	0.913939	0.343759	-1.4107	0.00134142
XLOC_021901	HR	chr8:21971931-21988565	1.24553	0.470458	-1.40462	0.00134142
XLOC_023696	PLXNB3	chrX:153029650-15304480	1.03902	0.411198	-1.33731	0.00743393
XLOC_008462	LOC100190986	chr16:21443344-21445776	1.02912	0.431032	-1.25554	0.0266793
XLOC_001226	MEGF6	chr1:3404505-3528059	1.04188	0.43824	-1.24939	0.00243047
XLOC_013582	ID1	chr20:30193085-30194317	51.4255	21.6917	-1.24534	0.00134142
XLOC_003944	LOC143666	chr11:573807-575885	1.59787	0.698321	-1.19419	0.0447795
XLOC_011472	LOC284454,MIR24-2	chr19:13945329-13947173	11.7658	5.14236	-1.19409	0.00134142
XLOC_009306	MGAT5B	chr17:74864797-74946471	3.50244	1.54524	-1.18053	0.00134142
XLOC_010358	SMAD7	chr18:46446222-46477081	3.50931	1.57974	-1.1515	0.00509212
XLOC_010113	ANKRD12	chr18:9136750-9285983	0.667542	0.307884	-1.11647	0.00337323
XLOC_021225	NAT16	chr7:100813773-100823557	2.44053	1.13805	-1.10062	0.0288382
XLOC_010598	ZNF627	chr19:11708234-11729974	3.60856	1.70313	-1.08324	0.00134142
XLOC_001351	ID3	chr1:23884420-23886285	298.771	141.728	-1.07592	0.00134142
XLOC_015463	SOX2-OT	chr3:180774467-181460015	1.60204	0.768464	-1.05986	0.0156972
XLOC_015716	AMT,NICN1	chr3:49454210-49466757	1.85048	0.898547	-1.04223	0.0101293
XLOC_003229	EPS8L2	chr11:706119-727727	1.94221	0.949089	-1.03309	0.0398899
XLOC_014114	MIR155,MIR155HG	chr21:26934456-26947480	4.46838	2.23158	-1.00169	0.0386414
XLOC_006984	CKB	chr14:103985994-103989195	7.60246	3.79851	-1.00103	0.0245451
XLOC_006994	AHNAK2	chr14:105403590-10544465	1.30062	0.650152	-1.00035	0.00134142
XLOC_011005	DHDH	chr19:49436938-49448226	6.69791	3.37443	-0.989066	0.0403066
XLOC_002510	DDIT4	chr10:74033676-74035797	160.213	81.5535	-0.974174	0.00134142
XLOC_011596	ZNF792	chr19:35447257-35454953	1.24719	0.638663	-0.965559	0.0270114
XLOC_006719	PPP1R3E	chr14:23765111-23772057	1.64142	0.863976	-0.925877	0.0322484
XLOC_000287	SH3D21	chr1:36771993-36786948	6.10116	3.2233	-0.920545	0.010797
XLOC_015109	FAM212A	chr3:49840686-49842463	9.6546	5.14508	-0.908024	0.0377654
XLOC_022941	ZNF484	chr9:95607312-95640320	1.0254	0.5465	-0.907897	0.0410573
XLOC_010801	ARHGAP33	chr19:36266416-36279724	2.97442	1.61558	-0.880557	0.0377654
XLOC_023940	XIST	chrX:73012039-73072588	5.78304	3.15718	-0.873194	0.00134142
XLOC_013304	CLK1	chr2:201717731-201729467	25.6702	14.1494	-0.859357	0.00134142
XLOC_015012	GOLGA4	chr3:37284681-37408370	2.60231	1.435	-0.858737	0.00593755
XLOC_001092	OBSCN	chr1:228391206-228566575	0.9513	0.525173	-0.857108	0.0189207
XLOC_014775	PIK3IP1	chr22:31677578-31688520	3.73956	2.066	-0.856026	0.036526
XLOC_018726	GABBR1	chr6:29570004-29600962	4.30705	2.43942	-0.820159	0.0172978
XLOC_018274	PIM1	chr6:37137921-37143204	18.9237	10.9827	-0.784958	0.00672555
XLOC_023961	BRWD3	chrX:79924986-80065233	0.602387	0.354879	-0.763363	0.0474163
XLOC_020707	CAV1	chr7:116164838-116201235	13.1861	7.78267	-0.760683	0.0101293
XLOC_022228	NRBP2	chr8:144915754-144923146	12.2378	7.27828	-0.749672	0.0101293
XLOC_018064	MYLIP	chr6:16129316-16148478	5.46051	3.2491	-0.748997	0.0292254
XLOC_021321	LOC646329	chr7:130565750-130598065	19.4428	11.7513	-0.726416	0.009453
XLOC_003218	ATHL1	chr11:289137-295688	28.6671	17.3742	-0.722454	0.00593755
XLOC_009159	ITGA3	chr17:48133339-48167849	38.1255	23.1558	-0.719386	0.00882987
XLOC_010099	TGIF1	chr18:3412071-3458406	43.338	26.3485	-0.717912	0.0150729
XLOC_014922	BHLHE40	chr3:5021096-5026865	33.1827	20.3029	-0.708747	0.0189207
XLOC_006666	CRIP2	chr14:105939274-10594657	33.5712	20.5764	-0.706235	0.0382315
XLOC_016071	ZMAT3	chr3:178735010-178789656	3.27701	2.02147	-0.696974	0.0200038
XLOC_013828	PROSAP1P1	chr20:3143272-3149207	5.24217	3.23607	-0.695923	0.0407579
XLOC_014921	ITPR1	chr3:4535031-4889524	2.63231	1.63853	-0.683929	0.0349222
XLOC_013811	TMEM74B	chr20:1161214-1165117	16.4793	10.2759	-0.681387	0.0331269
XLOC_007696	MAN2C1	chr15:75648132-75660968	13.2258	8.37533	-0.659138	0.0423316
XLOC_011819	HSD17B14	chr19:49316273-49339934	28.9188	18.3986	-0.652413	0.0481547
XLOC_022188	NDRG1	chr8:134249413-134309547	447.149	284.632	-0.651657	0.036526
XLOC_001826	S100A10	chr1:151955385-151966714	220.061	140.721	-0.645068	0.0326415
XLOC_015708	LAMB2	chr3:49158546-49170599	15.0793	9.74895	-0.62925	0.036526
XLOC_007490	GOLGA8A	chr15:34671269-34729667	16.9676	11.0735	-0.615678	0.0386414
XLOC_004936	LRP1	chr12:57522281-57607125	7.36291	4.81887	-0.611579	0.0423316
XLOC_006159	COMMD6	chr13:76099349-76111991	74.5355	49.7952	-0.581921	0.042771
XLOC_010555	HNRNPM	chr19:8509802-8554002	70.8767	106.918	-0.593117	0.0398899
XLOC_006973	WARS	chr14:100800124-10084268	45.9431	72.4734	0.657603	0.049309
XLOC_000486	CYR61	chr1:86046443-86049648	200.876	317.53	0.660583	0.0227017
XLOC_010849	ZFP36	chr19:39897486-39900052	13.7287	22.0116	0.681064	0.0470437
XLOC_021181	ASNS	chr7:97481428-97501854	116.771	210.558	0.850531	0.00743393
XLOC_013045	DUSP2	chr2:96808907-96811179	23.2108	42.0587	0.85761	0.00425224
XLOC_003130	ITPRIP	chr10:106069453-10609825	5.17355	10.2418	0.985241	0.00134142
XLOC_010943	FOSB	chr19:45971252-45978437	3.25502	6.44844	0.986284	0.00134142

XLOC_010623	IER2	chr19:13261281-13265718	109.617	226.127	1.04466	0.00134142
XLOC_007426	ARRDC4	chr15:98503932-98517068	1.17057	2.49025	1.08908	0.00243047
XLOC_000637	TXNIP	chr1:145438461-145442621	30.5512	65.595	1.10235	0.00134142
XLOC_010614	JUNB	chr19:12902309-12904125	28.2809	64.8805	1.19796	0.00134142
XLOC_016139	TFRC	chr3:195776154-195809031	9.24691	21.9745	1.24879	0.00134142
XLOC_021453	CLDN23	chr8:8559665-8561617	0.596655	1.53162	1.36009	0.0354094
XLOC_021908	EGR3	chr8:22545173-22550815	1.13677	3.48212	1.61502	0.00134142
XLOC_019081	CTGF	chr6:132269316-132272511	15.0013	47.5376	1.66399	0.00134142
XLOC_016793	CXCL2	chr4:74962753-74964997	0.51233	1.62607	1.66624	0.0139368
XLOC_002957	EGR2	chr10:64571755-64578927	0.163919	0.557903	1.76703	0.00509212
XLOC_016052	TERC	chr3:169482397-169482841	2.26415	8.22856	1.86167	0.021138
XLOC_006453	FOS	chr14:75745480-75748937	3.75654	15.9207	2.08343	0.00134142
XLOC_017345	EGR1	chr5:137801180-137805001	13.045	73.8399	2.5009	0.00134142
XLOC_015569	GHRL	chr3:10290176-10335133	0.0452918	0.408319	3.17237	0.0150729
XLOC_022797	C9orf24	chr9:34379016-34397849	0	0.393535	inf	0.00134142
XLOC_007737	RPS17	chr15:82821160-82824865	273.248	0	#NAME?	0.00134142
XLOC_007741	RPS17L	chr15:83205503-83209208	274.475	0.045967	-12.5438	0.686668
XLOC_001780	NBPF11,NBPF24	chr1:147574322-147624601	0.0626642	0.00445045	-3.81562	1
XLOC_017090	LOC643401	chr5:27472398-27496508	0.17492	0.014851	-3.55806	1
XLOC_024176	PNCK	chrX:152935187-152939811	0.177117	0.0155999	-3.5051	1
XLOC_018902	RCAN2	chr6:46188466-46459804	0.0432136	0.00386438	-3.48318	1
XLOC_016278	PTTG2	chr4:37892704-38140796	0.332446	0.0327484	-3.34362	1
XLOC_021626	SULF1	chr8:70378858-70573147	0.0219299	0.0021933	-3.32172	1
XLOC_023911	EDA2R	chrX:65815481-65859140	0.0365881	0.00384456	-3.25048	1
XLOC_012322	ZAP70	chr2:98330030-98356323	0.106697	0.0112282	-3.24832	1
XLOC_000325	LOC100129924	chr1:43253660-43263901	0.162602	0.0186049	-3.12759	1
XLOC_001362	RCAN3AS	chr1:24822822-24863510	0.583699	0.0669748	-3.12353	0.637163
XLOC_024150	FMR1-AS1	chrX:146990948-147032641	0.0461665	0.00535986	-3.10658	1
XLOC_008147	CCDC135	chr16:57728712-57765367	0.0471258	0.00585838	-3.00794	1
XLOC_017413	ABLIM3	chr5:148521053-148639991	0.0280871	0.00360233	-2.9629	1
XLOC_006528	CYP46A1	chr14:100150754-10019361	0.081429	0.0111082	-2.87392	1
XLOC_017726	SCARNA18	chr5:82348664-82373272	11.1879	1.57326	-2.83011	0.892632
XLOC_023427	PAGE2B	chrX:55101488-55105336	0.246403	0.0347045	-2.82783	1
XLOC_010560	OR7D2	chr19:9296269-9299493	0.0954843	0.0135913	-2.81258	1
XLOC_014435	RIMBP3C	chr22:21737662-21743455	0.0276867	0.00407098	-2.76574	1
XLOC_018551	LOC100652739	chr6:150139893-150244211	0.268861	0.0408278	-2.71924	1
XLOC_010154	HRH4	chr18:22040592-22059921	0.0252006	0.00389628	-2.69329	1
XLOC_018135	OR2B6	chr6:27925018-27925960	0.215377	0.0339073	-2.6672	1
XLOC_013425	KCNJ13	chr2:233562014-233725281	0.0239054	0.00378509	-2.65894	1
XLOC_019110	PBOV1	chr6:138483052-138665800	0.0303425	0.00495075	-2.61562	1
XLOC_011879	KLK15	chr19:51328544-51334779	0.107697	0.01774	-2.6019	1
XLOC_022131	LOC100499183	chr8:104145190-104242531	0.0800907	0.0132385	-2.59689	1
XLOC_015954	CPNE4	chr3:131253576-131753841	0.0329354	0.00544441	-2.59679	1
XLOC_023285	CDKL5	chrX:18443724-18690223	0.0227497	0.00377583	-2.59098	1
XLOC_012314	FER1L5	chr2:97308573-97370624	0.028831	0.00481983	-2.58057	1
XLOC_005122	LINC00173	chr12:116971226-11697431	0.641037	0.108158	-2.56727	0.290771
XLOC_005264	SLC2A14	chr12:7966396-8025495	0.0457485	0.00774462	-2.56246	1
XLOC_014862	NFAM1	chr22:42776413-42828401	0.0180415	0.00307833	-2.5511	1
XLOC_012004	ZSCAN18	chr19:58595208-58629793	0.0687132	0.0118553	-2.53506	1
XLOC_022433	LOC100128076	chr9:94895115-94900911	0.169788	0.0293421	-2.53269	1
XLOC_021241	DPY19L2P2	chr7:102815461-102920911	0.0189306	0.0033241	-2.50969	1
XLOC_013997	WFDC10B	chr20:44313289-44337456	0.175357	0.0310676	-2.49681	1
XLOC_010373	SNORA37	chr18:51677970-51751158	14.8587	2.65905	-2.48232	0.822719
XLOC_011227	ZNF549	chr19:58038692-58052244	0.0332945	0.0059614	-2.48156	1
XLOC_015501	MIR1248,SNORA81	chr3:186501360-186524481	20.0816	3.60881	-2.47628	0.653375
XLOC_013513	LOC728228	chr20:4173736-4176600	0.188862	0.0341372	-2.46792	1
XLOC_011824	LOC101059948	chr19:49521504-49522741	0.256658	0.0465342	-2.46349	1
XLOC_003950	CEND1	chr11:787109-790126	0.166549	0.0305306	-2.44762	1
XLOC_008037	PRRT2	chr16:29823408-29827202	0.0978242	0.0180387	-2.4391	1
XLOC_008540	ZNF843	chr16:31446884-31454348	0.0809905	0.0149764	-2.43506	1
XLOC_000328	SLC2A1-AS1	chr1:43391045-43449029	0.166134	0.0308337	-2.42977	1
XLOC_002436	FAM35BP	chr10:466897640-46939145	0.0177814	0.00333269	-2.41561	1
XLOC_003240	MUC5B	chr11:1244294-1283406	0.0453983	0.0085577	-2.40734	1
XLOC_003938	ANO9	chr11:417929-442011	0.122061	0.0232266	-2.39375	1
XLOC_023666	LOC100272228	chrX:149106765-149185011	0.126999	0.0241908	-2.39228	1
XLOC_015343	CCRL1	chr3:132276981-132593051	0.0260976	0.00506426	-2.36549	1
XLOC_022087	RUNX1T1	chr8:92967194-93115454	0.00907359	0.00177314	-2.35537	1
XLOC_004777	SSPN	chr12:26348268-26387708	0.0142977	0.00284986	-2.32682	1
XLOC_007818	PDIA2	chr16:333117-337209	0.138709	0.0279541	-2.31093	1
XLOC_003037	FAS-AS1	chr10:90694830-90775542	0.0414873	0.00838623	-2.30658	1
XLOC_008610	CCDC79	chr16:66788878-66835523	0.0223328	0.00451649	-2.30589	1
XLOC_016733	CNGA1	chr4:47937993-48014961	0.0586328	0.0119006	-2.30067	1
XLOC_015165	C3orf14	chr3:62305395-62319320	0.0932657	0.0191168	-2.2865	1
XLOC_004128	DCDC5	chr11:30885149-31014233	0.0117486	0.00241508	-2.28234	1
XLOC_015059	ZNF660	chr3:44626455-44637557	0.0498004	0.0102717	-2.27748	1
XLOC_022717	RLN1	chr9:5334931-5339873	0.0790291	0.0163171	-2.276	1
XLOC_018539	LOC100507557	chr6:145946439-146285231	0.0152413	0.00316045	-2.26978	1
XLOC_013311	ALS2CR11	chr2:202352143-202483901	0.00912385	0.0018962	-2.26653	1
XLOC_015243	HHLA2	chr3:108021331-108097121	0.0228905	0.0047758	-2.26093	1

XLOC_021198	GJC3	chr7:99520891-99527243	0.0751956	0.015859	-2.24534	1
XLOC_021099	SPDYE8P	chr7:72476588-72519691	0.0230736	0.00489646	-2.23643	1
XLOC_018010	HEIH	chr5:180256953-18026272	0.0651098	0.0138895	-2.22888	1
XLOC_011633	ZNF569	chr19:37902059-37958339	0.0259451	0.00554479	-2.22626	1
XLOC_002313	PRR26	chr10:320129-735608	0.0890965	0.0190744	-2.22373	1
XLOC_018566	TIAM2	chr6:155411422-155635617	0.035064	0.00758565	-2.20864	1
XLOC_001428	FNDC5	chr1:33327868-33338082	0.0691391	0.0149656	-2.20785	1
XLOC_013409	LOC151475	chr2:231555635-23156524	0.0252481	0.00547539	-2.20514	1
XLOC_013800	LINC00266-1	chr20:62921737-62934707	0.117983	0.0256109	-2.20374	1
XLOC_001240	HES2	chr1:6475293-6479979	0.0188742	0.00409994	-2.20274	1
XLOC_014395	CECR5-AS1	chr22:17618409-17646335	0.271576	0.0593429	-2.19421	1
XLOC_008479	LOC100506655	chr16:25123046-25189551	0.0247273	0.00556515	-2.15161	1
XLOC_006118	LINC00441	chr13:48870648-48877797	0.129232	0.0290998	-2.15089	1
XLOC_020657	EPO	chr7:100318422-10032132	0.217616	0.0491043	-2.14786	1
XLOC_001661	ABCA4	chr1:94458393-94586705	0.00940651	0.00212363	-2.14713	1
XLOC_010997	SULT2B1	chr19:49055428-49102684	0.186271	0.0421174	-2.14492	1
XLOC_012272	TCF7L1	chr2:85360582-85537511	0.105272	0.0238464	-2.14229	1
XLOC_018107	HIST1H2BI	chr6:26273203-26273640	0.321119	0.0727927	-2.14124	1
XLOC_002732	BTBD16	chr10:124030820-1240976	0.0376905	0.00856478	-2.13771	1
XLOC_006007	GAS6-AS1	chr13:114518582-1145670	0.121008	0.0276366	-2.13045	1
XLOC_003297	CNGA4	chr11:6260321-6265707	0.0428621	0.0098859	-2.11626	1
XLOC_011828	CGB8	chr19:49550894-49552368	0.697909	0.161862	-2.10828	0.263024
XLOC_007323	PSTPIP1	chr15:77287464-77329671	0.0532893	0.0123665	-2.1074	1
XLOC_017776	CDO1	chr5:115140429-11515240	0.0699236	0.0163503	-2.09647	1
XLOC_003945	IRF7	chr11:612554-615999	0.0629319	0.014825	-2.08576	1
XLOC_013090	SH3RF3-AS1	chr2:109743783-11026220	0.0554814	0.0130701	-2.08574	1
XLOC_016145	C3orf43	chr3:196233749-19624223	0.147289	0.0353505	-2.05885	1
XLOC_023199	ENTPD8	chr9:140317846-14033590	0.234007	0.0562013	-2.05788	1
XLOC_017525	ZNF454	chr5:178368193-17839321	0.049405	0.0120101	-2.04041	1
XLOC_013608	C20orf144	chr20:32244892-32262264	0.307381	0.075069	-2.03374	1
XLOC_004888	LOC400043	chr12:54519854-54526626	0.128641	0.0314779	-2.03095	1
XLOC_006478	GPR65	chr14:88471467-88481155	0.0108706	0.00267862	-2.02086	1
XLOC_017381	PCDHB12	chr5:140588290-14059169	0.10951	0.0270102	-2.01948	1
XLOC_015446	TMEM212	chr3:171561138-17157710	0.145361	0.0360727	-2.01066	1
XLOC_015530	MUC20	chr3:195447752-19546454	0.0792798	0.0196831	-2.01	1
XLOC_007817	ARHGDI3	chr16:330605-333003	0.555933	0.138291	-2.00721	0.263143
XLOC_014885	SMC1B	chr22:45739944-45809500	0.0201793	0.00503317	-2.00334	1
XLOC_010620	DAND5	chr19:13080431-13085567	0.166664	0.0418705	-1.99294	1
XLOC_007106	WHAMMP2	chr15:28982728-29003508	0.0474529	0.0120326	-1.97955	1
XLOC_023613	FAM45B	chrX:129628914-12963142	0.041864	0.0106284	-1.97779	1
XLOC_000349	C1orf228	chr1:45140393-45191263	0.21021	0.0534838	-1.97466	1
XLOC_017907	FAT2	chr5:150883652-15094850	0.0185084	0.00471267	-1.97356	1
XLOC_009545	GRAP	chr17:18853988-18950336	0.0742848	0.0189538	-1.97058	1
XLOC_002940	A1CF	chr10:52559168-52645435	0.0150994	0.00386109	-1.96741	1
XLOC_007605	HSP90AB4P	chr15:58888509-59042177	0.0353581	0.00910232	-1.95773	1
XLOC_023196	LOC100129722	chr9:140144670-14014794	0.593907	0.153152	-1.95527	0.0972878
XLOC_011829	CGB7	chr19:49557530-49558997	1.33518	0.34743	-1.94224	0.108704
XLOC_018474	GJA1	chr6:121756744-12177087	0.0147723	0.00388759	-1.92594	1
XLOC_012488	SCN2A	chr2:166095911-16624882	0.00520588	0.00137552	-1.92017	1
XLOC_004707	ZNF705A	chr12:8325149-8332642	0.0125872	0.00332755	-1.91942	1
XLOC_002899	C10orf10	chr10:45455218-45490172	0.127649	0.0338074	-1.91677	1
XLOC_023937	NAP1L6	chrX:72345875-72347919	0.0265333	0.00703691	-1.91479	1
XLOC_022991	ABCA1	chr9:107543283-10769052	0.045219	0.0120667	-1.9059	1
XLOC_005273	MFA5	chr12:8798539-8815433	0.0173114	0.00462773	-1.90335	1
XLOC_004997	GLIPR1L1	chr12:75728462-75764169	0.0593047	0.0159136	-1.89789	1
XLOC_016029	PA2G4P4	chr3:156465131-15653485	0.0164198	0.00441673	-1.89439	1
XLOC_002817	CCDC3	chr10:12938624-13043704	0.024522	0.00660019	-1.8935	1
XLOC_001787	HIST2H3D	chr1:149784779-14978523	0.730816	0.197359	-1.88869	0.61154
XLOC_021814	C8orf42	chr8:439789-495781	0.0602579	0.0163294	-1.88368	1
XLOC_001272	DHRS3	chr1:12627938-12677820	0.474866	0.129189	-1.87803	0.138263
XLOC_022412	NTRK2	chr9:87283465-87638505	0.0113986	0.00310578	-1.87583	1
XLOC_004793	FLJ13224	chr12:31433519-31479159	0.236174	0.0650764	-1.85964	1
XLOC_018750	PSORS1C2	chr6:31082607-31107869	0.138095	0.0381553	-1.8557	1
XLOC_004511	SLN	chr11:107578100-1075827	0.0786898	0.0217509	-1.8551	1
XLOC_015578	LOC100129480	chr3:12581279-12586963	0.0505456	0.0139824	-1.85398	1
XLOC_000671	CA14	chr1:150230217-15023748	0.0299157	0.00829281	-1.85097	1
XLOC_018451	WISP3	chr6:112375277-11239088	0.0380283	0.0105497	-1.84988	1
XLOC_005643	LOC643770	chr12:98879321-98897633	0.230669	0.0643648	-1.84148	1
XLOC_020329	FLJ44511	chr7:560027-564869	0.123264	0.0344646	-1.83856	1
XLOC_005662	GNN	chr12:104237526-1043239	0.0500866	0.0140293	-1.83598	1
XLOC_003044	FLJ37201	chr10:91451056-91457685	0.063103	0.0176852	-1.83517	1
XLOC_023998	SLC25A53	chrX:103139054-10340170	0.0171956	0.00482768	-1.83264	1
XLOC_015336	COL6A6	chr3:130279177-13039588	0.00489877	0.00138855	-1.81884	1
XLOC_014965	C3orf20	chr3:14716605-14814543	0.0188717	0.00534957	-1.81873	1
XLOC_010932	APOC1P1	chr19:45430059-45434643	0.108802	0.0308823	-1.81685	1
XLOC_022091	LINC00535	chr8:94358694-94712661	0.0558513	0.0158801	-1.81437	1
XLOC_006181	DCT	chr13:95091840-95131936	0.0210711	0.00599334	-1.81383	1
XLOC_012714	INPP5D	chr2:233925035-23411654	0.334915	0.0952766	-1.8136	1
XLOC_022948	FBP2	chr9:97321002-97356075	0.0476785	0.0135638	-1.81358	1

XLOC_004730	LOC338817	chr12:11700963-11717335	0.0141762	0.0040417	-1.81043	1
XLOC_009934	FAM20A	chr17:66507920-66597095	0.0120773	0.00345011	-1.80758	1
XLOC_013930	PXMP4	chr20:32290549-32308136	0.00895664	0.00255985	-1.8069	1
XLOC_011091	ERVV-1	chr19:53517343-53519833	0.01968231	0.00563646	-1.8041	1
XLOC_000573	GSTM5	chr1:110254863-110260890	0.188223	0.0539452	-1.80287	1
XLOC_006186	DZIP1	chr13:96085852-96296960	0.0122699	0.00352059	-1.80124	1
XLOC_021810	ZNF252P-AS1	chr8:146198974-146231433	0.134521	0.0386588	-1.79897	1
XLOC_022862	PGM5P2	chr9:69080243-69147854	0.14242	0.0409984	-1.79651	1
XLOC_009839	LOC284080	chr17:48127712-48133103	0.159726	0.0460773	-1.79347	1
XLOC_008950	CRYBA1	chr17:27573874-27581502	0.0689315	0.0198896	-1.79315	1
XLOC_004728	PRH2	chr12:10998447-11328619	0.0132244	0.00382163	-1.79094	1
XLOC_000819	KLHDC9	chr1:161068150-161070138	0.428319	0.123899	-1.78952	0.123604
XLOC_016655	PPP2R2C	chr4:6322304-6565327	0.0128195	0.00370926	-1.78914	1
XLOC_003580	FLRT1	chr11:63766029-63933585	0.0936776	0.0271387	-1.78735	1
XLOC_007327	SH2D7	chr15:78384926-78396393	0.0320253	0.00928148	-1.78679	1
XLOC_016885	RPL34-AS1	chr4:109459345-109541613	0.0109127	0.00316335	-1.78648	1
XLOC_016604	KLKB1	chr4:187148671-187179625	0.0550026	0.0159598	-1.78505	1
XLOC_004009	HBBP1	chr11:5263184-5264822	0.174697	0.0507055	-1.78464	1
XLOC_022669	KIAA1984	chr9:139690789-139735633	0.181994	0.0528811	-1.78307	1
XLOC_022692	C9orf173	chr9:140144670-140147945	0.172093	0.0501053	-1.78016	1
XLOC_022265	KCNV2	chr9:2717525-2730037	0.0777735	0.0226571	-1.77932	1
XLOC_011878	KLK1	chr19:51322403-51327043	0.151705	0.0443108	-1.77554	1
XLOC_009170	CACNA1G	chr17:48633567-48704832	0.0101448	0.00296406	-1.7751	1
XLOC_006852	TEX21P	chr14:64812190-64814329	0.082816	0.0242606	-1.7713	1
XLOC_008562	ABCC11	chr16:48200821-48269088	0.0351405	0.0103288	-1.76646	1
XLOC_011997	FKBP1AP1	chr19:58336666-58338830	0.0339438	0.00999963	-1.7632	1
XLOC_002390	LINC00264	chr10:26878793-26883251	0.0565932	0.0167028	-1.76053	1
XLOC_017705	SNORA47	chr5:76372531-76444176	4.78846	1.41399	-1.75979	0.874709
XLOC_004211	PRG2	chr11:57154833-57158130	0.0754308	0.0222941	-1.75849	1
XLOC_006300	TSSK4	chr14:24674925-24677454	0.0889894	0.0263721	-1.75462	1
XLOC_008820	SLC35G6	chr17:7362684-7387568	0.0670393	0.0198852	-1.75331	1
XLOC_013663	SGK2	chr20:42187634-42214273	0.34775	0.103491	-1.74854	0.0718958
XLOC_020542	LINC00035	chr7:73149398-73150330	0.589695	0.175794	-1.74608	0.532349
XLOC_018220	C4A,C4B_2	chr6:31982571-32003195	0.0112414	0.0033523	-1.7456	1
XLOC_022678	LCN12	chr9:139846767-139849945	0.262967	0.0785388	-1.74341	1
XLOC_018430	AIM1	chr6:106959729-107018334	0.006002	0.00179332	-1.74281	1
XLOC_007661	ANP32A-IT1	chr15:69070874-69113261	0.013858	0.00414076	-1.74275	1
XLOC_008667	PKD1L3	chr16:71928310-72033877	0.00835098	0.00250138	-1.73922	1
XLOC_014362	TSPEAR	chr21:45917774-46131495	0.0179464	0.00537832	-1.73846	1
XLOC_011598	LG14	chr19:35615416-35626178	0.0275242	0.00826873	-1.73496	1
XLOC_022323	DNAI1	chr9:34458810-34520982	0.0384032	0.0115645	-1.73152	1
XLOC_000332	TIE1	chr1:43766565-43788781	0.0710566	0.0214681	-1.72678	1
XLOC_004059	C11orf16	chr11:8932700-8954553	0.0288993	0.00876017	-1.722	1
XLOC_008080	CLUHP3	chr16:31711933-31718745	0.416817	0.126687	-1.71815	0.11933
XLOC_020747	SMO	chr7:128828712-128853385	0.0778797	0.0237534	-1.71311	1
XLOC_007627	RBPMS2	chr15:65032094-65067770	0.0375746	0.0114737	-1.71143	1
XLOC_008217	IL34	chr16:70613797-70694585	0.0418201	0.0128006	-1.70798	1
XLOC_008618	EXOC3L1	chr16:67218281-67224107	0.0303407	0.00929447	-1.70681	1
XLOC_010667	NWD1	chr19:16830786-16928774	0.00679977	0.00209022	-1.70183	1
XLOC_009875	C17orf47	chr17:56618947-56621733	0.0222424	0.00684039	-1.70117	1
XLOC_018253	SCUBE3	chr6:35182189-35218609	0.0100799	0.00311352	-1.69486	1
XLOC_016305	SLC10A4	chr4:48485359-48491541	0.0293197	0.0090593	-1.6944	1
XLOC_017826	SMAD5-AS1	chr5:135465202-135518423	0.101961	0.0315275	-1.69333	1
XLOC_020409	HOXA-AS3	chr7:27179982-27196296	0.0568335	0.0175848	-1.69241	1
XLOC_000516	LOC100129046	chr1:94027342-94312706	0.035429	0.0109796	-1.69011	1
XLOC_011675	CNTD2	chr19:40728114-40732597	0.052785	0.0164414	-1.68828	1
XLOC_023555	VSIG1	chrX:107288199-107322414	0.0138916	0.00432731	-1.68267	1
XLOC_001566	FAM151A	chr1:55013806-55100417	0.3034	0.0946897	-1.67994	1
XLOC_012075	FAM228A	chr2:24397971-24414567	0.168809	0.0526944	-1.67967	1
XLOC_006629	LINC00239	chr14:102196773-10219886	0.217567	0.0682361	-1.67285	1
XLOC_022937	ECM2	chr9:95059639-95432547	0.0266444	0.00837471	-1.66972	1
XLOC_005304	TAS2R14	chr12:10998447-11328619	0.19857	0.0624537	-1.66879	1
XLOC_013842	RASSF2	chr20:4760668-4804291	0.00815318	0.00256997	-1.66561	1
XLOC_008162	CA7	chr16:66878281-66888049	0.0435354	0.0137462	-1.66316	1
XLOC_006838	RTN1	chr14:60062693-60337557	0.0311407	0.00985853	-1.65936	1
XLOC_023683	CSAG1	chrX:151903227-151909511	0.0852843	0.027027	-1.65788	1
XLOC_017427	MYOZ3	chr5:150040402-150058930	0.0277884	0.00881171	-1.65699	1
XLOC_003921	ST14	chr11:130029681-13008025	0.0233437	0.00740992	-1.6555	1
XLOC_003015	ZMIZ1-AS1	chr10:80703082-80827205	0.06615	0.0210977	-1.64866	1
XLOC_020740	FLNC	chr7:128470482-128499325	0.0695941	0.0222135	-1.64753	1
XLOC_020857	GIMAP1,GIMAP1-GIMAP5,C	chr7:150413644-150440733	0.0105967	0.00338365	-1.64696	1
XLOC_004466	SNORA8	chr11:93465526-93465665	34.4632	11.031	-1.64349	0.244643
XLOC_004041	GVINP1	chr11:6734380-6743110	0.0121829	0.00391185	-1.63893	1
XLOC_005869	VWA8-AS1	chr13:42535304-42555701	0.0360486	0.0116094	-1.63465	1
XLOC_008166	CES4A	chr16:67022491-67043659	0.026482	0.00855152	-1.63076	1
XLOC_022536	PTGS1	chr9:125132808-125157982	0.0178466	0.00576689	-1.62979	1
XLOC_017961	LOC643201	chr5:175570087-175626295	0.037947	0.0123077	-1.62443	1
XLOC_013213	GALNT3	chr2:166604312-166650803	0.0220498	0.00718912	-1.61688	1
XLOC_006348	ABHD12B	chr14:51338877-51371688	0.056332	0.0183897	-1.61505	1

XLOC_003233	SNORA52	chr11:809935-812876	25.5496	8.36614	-1.61067	0.840585
XLOC_011654	LOC643669	chr19:39399619-39402798	0.417991	0.137596	-1.60303	0.292729
XLOC_001948	C1orf204,VSIG8	chr1:159796478-159832447	0.133337	0.0439069	-1.60256	1
XLOC_008294	LOC100287036	chr16:89334028-89556969	0.131099	0.0436435	-1.58682	1
XLOC_005226	NRIP2	chr12:2934513-2944221	0.173919	0.0580183	-1.58384	1
XLOC_003689	KRTAP5-10	chr11:71276608-71277666	0.139859	0.0475412	-1.55672	1
XLOC_014437	TMEM191C	chr22:21821458-21824224	0.643238	0.220229	-1.54635	0.348936
XLOC_013905	FAM182B	chr20:25744101-25781927	0.0920566	0.031522	-1.54616	1
XLOC_010022	AATK	chr17:79008946-79156964	0.587076	0.201108	-1.54558	0.82576
XLOC_007012	GOLGA8I	chr15:23255241-23262743	0.0442596	0.0152085	-1.54111	1
XLOC_005992	TEX29	chr13:111973014-11199655	0.715109	0.246355	-1.53742	0.302989
XLOC_019168	AIRN	chr6:160390130-160527583	0.033422	0.0115205	-1.53659	1
XLOC_023610	RAB33A	chrX:129305772-12931884	0.156062	0.0538197	-1.53591	1
XLOC_012698	B3GNT7	chr2:232260334-232265871	0.154924	0.0534618	-1.53498	1
XLOC_012851	LOC100505716	chr2:28004265-28561767	0.0707267	0.0244425	-1.53286	1
XLOC_004364	ACY3	chr11:67410025-67418130	0.109624	0.0379777	-1.52934	1
XLOC_002485	TET1	chr10:70320116-70454239	0.0109832	0.00380669	-1.52869	1
XLOC_009352	TEX19	chr17:80317122-80321652	0.459924	0.161084	-1.51359	0.10104
XLOC_012706	PRSS56	chr2:233385172-233390421	0.299879	0.105055	-1.51323	1
XLOC_000975	PTPRVP	chr1:202137178-202158571	0.0267991	0.00940848	-1.51015	1
XLOC_008377	CCDC64B	chr16:3077867-3089133	0.259658	0.0912299	-1.50903	1
XLOC_006350	LINC00640	chr14:51800110-51832275	0.135134	0.0474941	-1.50857	1
XLOC_010977	CRX	chr19:48325098-48346586	0.0405178	0.0142802	-1.50454	1
XLOC_017745	SPATA9	chr5:94994019-95018714	0.0601114	0.0212149	-1.50256	1
XLOC_002507	CDH23	chr10:73156690-73575704	0.0367123	0.0129698	-1.50111	1
XLOC_008955	EFCAB5	chr17:27952964-28435470	0.0352344	0.0125551	-1.48871	1
XLOC_015625	SUSD5	chr3:33191536-33260707	0.0301515	0.0107525	-1.48756	1
XLOC_001772	NBPF11,NBPF24	chr1:146032541-146082761	0.014329	0.00511451	-1.48627	1
XLOC_011345	FUT3	chr19:5842898-5851485	0.0592989	0.0211944	-1.48432	1
XLOC_018134	HIST1H2BO	chr6:27861202-27861669	1.67242	0.598288	-1.48303	0.30251
XLOC_006971	DEGS2	chr14:100612752-10062601	0.121668	0.0435869	-1.48098	1
XLOC_018613	C6orf195	chr6:2622971-2635298	0.137847	0.0493979	-1.48054	1
XLOC_003064	LOC728558	chr10:97471535-97849992	0.0274714	0.00984755	-1.48009	1
XLOC_009457	CLDN7	chr17:7155371-7166512	0.164078	0.0588431	-1.47944	1
XLOC_003193	EBF3	chr10:131633495-13176205	0.0551849	0.0198245	-1.47699	1
XLOC_010817	ZNF790-AS1	chr19:37288451-37407193	0.0736783	0.0264864	-1.47599	1
XLOC_002103	ASCL5	chr1:201083080-201084501	0.53726	0.193182	-1.47566	0.357264
XLOC_007193	GATM-AS1	chr15:45653321-45672321	0.0903856	0.0325061	-1.47538	1
XLOC_003046	ANKRD1	chr10:92671856-92681032	0.406956	0.146577	-1.47321	0.0799746
XLOC_006859	FUT8-AS1	chr14:65877309-66210839	0.159001	0.0573339	-1.47158	1
XLOC_001708	DENND2D	chr1:111728590-111747161	0.0359254	0.0129656	-1.47031	1
XLOC_001557	GLIS1	chr1:53971905-54199877	0.053547	0.0193293	-1.47002	1
XLOC_009248	LOC440461	chr17:66194800-66196443	0.110804	0.0400023	-1.46986	1
XLOC_013034	FOXI3	chr2:88747725-88752053	0.153098	0.0554201	-1.46598	1
XLOC_021725	COLEC10	chr8:120079423-120119201	0.0624952	0.0226577	-1.46375	1
XLOC_005180	TMEM132B	chr12:125811161-12614351	0.00893609	0.00325322	-1.45778	1
XLOC_003967	MRPL23-AS1	chr11:2004438-20111150	0.0647864	0.0236114	-1.4562	1
XLOC_021362	TRPV6	chr7:142568959-142583491	0.0346522	0.0126312	-1.45596	1
XLOC_014823	KCNJ4	chr22:38822332-38851205	0.0782691	0.0287952	-1.44261	1
XLOC_017766	NREP	chr5:110834021-111353001	0.0783403	0.0289268	-1.43735	1
XLOC_016629	SPON2	chr4:1160720-1202750	0.519807	0.192145	-1.43578	0.159174
XLOC_022626	BARHL1	chr9:135457992-135465641	0.111208	0.0412045	-1.43238	1
XLOC_008250	LOC100129617	chr16:81478774-81745367	0.0651071	0.0241627	-1.43003	1
XLOC_018437	LINC00222	chr6:109072856-109091141	0.0642232	0.0238994	-1.42612	1
XLOC_023977	TAF7L	chrX:100523240-100548051	0.0998957	0.0372189	-1.42439	1
XLOC_003667	ALDH3B1	chr11:67776047-67796743	0.0656065	0.0245368	-1.41889	1
XLOC_012730	RBM44	chr2:238707387-238751451	0.120803	0.0453212	-1.41444	1
XLOC_010012	RBFOX3	chr17:77085426-77478563	0.050266	0.0188811	-1.41264	1
XLOC_008535	PRSS8	chr16:31142753-31147151	0.392861	0.147947	-1.40894	0.212722
XLOC_006809	FRMD6-AS1	chr14:51921229-52197444	0.377828	0.14232	-1.40859	0.943606
XLOC_013728	CASS4	chr20:54987167-55034396	0.0297939	0.0112504	-1.40504	1
XLOC_006000	PROZ	chr13:113812967-11382661	0.24749	0.093787	-1.39991	1
XLOC_023031	TNFSF15	chr9:117546914-117568401	0.00486994	0.00184852	-1.39754	1
XLOC_008195	CDH3	chr16:68678150-68732957	0.183712	0.0698489	-1.39513	1
XLOC_008730	SLC22A31	chr16:89262168-89266529	0.0780962	0.0297783	-1.39099	1
XLOC_006196	GPR18	chr13:99848627-100058554	0.0269069	0.0103196	-1.38259	1
XLOC_020856	GIMAP2	chr7:150382793-150390721	0.0639516	0.0245409	-1.38179	1
XLOC_010704	TMEM59L	chr19:18723681-18731849	0.125051	0.0480968	-1.37851	1
XLOC_014301	C21orf62	chr21:34144410-34186053	0.00820557	0.00316367	-1.375	1
XLOC_021129	FDPSSL2A	chr7:76090971-76135312	0.0356775	0.0137793	-1.37251	1
XLOC_019121	LOC100507489	chr6:143287558-143358711	0.104583	0.0404032	-1.37211	1
XLOC_012510	CYBRD1	chr2:172378756-172414643	0.0154275	0.00596573	-1.37073	1
XLOC_003309	NLRP14	chr11:7041699-7092757	0.00770262	0.00297963	-1.37022	1
XLOC_014525	LOC100506195	chr22:33669061-34316416	0.0335848	0.0130857	-1.35981	1
XLOC_016798	PPEF2	chr4:76781025-76823681	0.067863	0.0264472	-1.35951	1
XLOC_016986	MARCH1	chr4:164445449-165304407	0.234624	0.0915409	-1.35786	1
XLOC_011649	LGALS4	chr19:39292310-39303740	0.213141	0.0831797	-1.3575	1
XLOC_0022341	FP588	chr9:35860270-35865515	0.196402	0.0767351	-1.35585	1
XLOC_002764	JAKMIP3	chr10:133918312-13399831	0.168972	0.0661349	-1.3533	1

XLOC_003744	CCDC81	chr11:86085777-86134151	0.0682862	0.0267808	-1.35039	1
XLOC_007902	LOC100128770	chr16:3077867-3089133	0.0919515	0.0362667	-1.34223	1
XLOC_017451	LOC285626	chr5:158758525-15878984	0.022992	0.00907916	-1.3405	1
XLOC_008661	TAT	chr16:71600753-71610998	0.0135498	0.00535364	-1.33968	1
XLOC_000547	LOC100129138	chr1:104615644-10461969	0.170053	0.0673839	-1.33551	1
XLOC_002679	LOC100505839	chr10:105353783-1056151	0.0176396	0.00699732	-1.33394	1
XLOC_006891	SYNDIG1L	chr14:74872595-74892805	0.0878859	0.0348986	-1.33246	1
XLOC_017285	LOC100505841	chr5:121495870-12151835	0.683363	0.27149	-1.33176	0.466904
XLOC_007356	AGSK1,LOC727849	chr15:82944792-82986427	0.0576952	0.0229269	-1.33141	1
XLOC_012281	ATOH8	chr2:85980908-86018506	0.0386945	0.0153861	-1.3305	1
XLOC_018716	LOC401242	chr6:28827401-28831454	0.0135407	0.00538508	-1.33027	1
XLOC_012150	TMEM178A	chr2:39892637-39945104	0.218387	0.0868955	-1.32953	1
XLOC_002896	HNRNPA3P1	chr10:44282859-44285865	0.00870254	0.00347432	-1.3247	1
XLOC_007421	LOC440311	chr15:95398591-95400293	0.252517	0.100819	-1.32461	1
XLOC_000902	C1orf220	chr1:178511930-17851802	0.106791	0.0426512	-1.32413	1
XLOC_005349	ST8SIA1	chr12:22346324-22487648	0.00286169	0.00114403	-1.32274	1
XLOC_016877	CXXC4	chr4:105389462-10541605	0.00583325	0.00233238	-1.3225	1
XLOC_015188	EBLN2	chr3:73046118-73115011	0.0746892	0.0298733	-1.32204	1
XLOC_003709	DNAJB13	chr11:73661363-73681332	0.0992455	0.0397497	-1.32006	1
XLOC_000339	ARTN	chr1:44398991-44402912	0.319389	0.128429	-1.31434	1
XLOC_014566	APOBEC3G	chr22:39473009-39483748	0.0205941	0.00828239	-1.31411	1
XLOC_002291	PTENP1	chr9:33673501-33677418	0.00759025	0.00306072	-1.31028	1
XLOC_002041	SERPINC1	chr1:173872941-17388651	0.0472797	0.0190913	-1.30831	1
XLOC_000830	HSPA6	chr1:161494035-16149668	0.715547	0.288992	-1.30802	0.101333
XLOC_0022974	GABBR2	chr9:101050363-10147147	0.0140105	0.00566994	-1.3051	1
XLOC_001499	C1orf210	chr1:43747556-43751288	0.0336186	0.0136139	-1.30418	1
XLOC_019067	STL	chr6:125229391-12528417	0.0430425	0.0174658	-1.30123	1
XLOC_014714	C22orf43	chr22:23950638-23974508	0.155119	0.0629554	-1.30097	1
XLOC_018831	TULP1	chr6:35465650-35480647	0.105587	0.042855	-1.30089	1
XLOC_017643	LOC100652772	chr5:43573286-43705668	0.00925161	0.00375529	-1.30078	1
XLOC_005332	C12orf69	chr12:14956505-14976791	0.0420948	0.0171049	-1.29923	1
XLOC_010191	RNF165	chr18:43914186-44040783	0.253743	0.103135	-1.29884	1
XLOC_018986	GJB7	chr6:87992696-88052043	0.0145329	0.00591259	-1.29746	1
XLOC_000137	PADI3	chr1:17575592-17610727	0.0120759	0.00492749	-1.29321	1
XLOC_020415	JAZF1-AS1	chr7:27870192-28280996	0.0625662	0.0255576	-1.29163	1
XLOC_009434	LOC728392	chr17:5402746-5404319	0.73853	0.301741	-1.29134	0.207506
XLOC_001253	GPR157	chr1:9164475-9189229	0.398756	0.163008	-1.29056	0.61004
XLOC_013746	TUBB1	chr20:57594308-57601709	0.13966	0.0571543	-1.28899	1
XLOC_019192	C6orf123	chr6:168185218-16819753	0.025785	0.0106189	-1.2799	1
XLOC_012710	EFHD1	chr2:233470766-23354749	0.156967	0.0648084	-1.27621	1
XLOC_022892	PRUNE2	chr9:79226291-79521003	0.00219836	0.000910397	-1.27186	1
XLOC_023777	RS1	chrX:18443724-18690223	0.0121214	0.00502521	-1.2703	1
XLOC_009286	MYO15B	chr17:73584138-73663269	0.565246	0.234397	-1.26992	0.577945
XLOC_014471	BCRP3	chr22:25028881-25055114	0.316125	0.131232	-1.26838	1
XLOC_016027	TIPARP-AS1	chr3:156390959-15642455	0.400759	0.166514	-1.26709	0.949303
XLOC_008158	BEAN1	chr16:66461199-66527432	0.269167	0.112006	-1.26492	1
XLOC_008669	PMFBP1	chr16:72152995-72206349	0.108996	0.0454248	-1.26273	1
XLOC_023979	BTK	chrX:100604434-10064121	0.0124281	0.00518844	-1.26203	1
XLOC_023761	GPM6B	chrX:13789061-13956831	0.0106322	0.00444568	-1.25797	1
XLOC_023076	NRON	chr9:129089122-12926932	0.0124613	0.00521368	-1.25708	1
XLOC_014446	LOC648691	chr22:22901755-22909007	0.010315	0.00432838	-1.25284	1
XLOC_015989	SLC9A9	chr3:142984063-14356737	0.0177641	0.00745925	-1.25186	1
XLOC_012776	RNF144A-AS1	chr2:7052406-7184309	0.0137196	0.00576441	-1.251	1
XLOC_014977	KCNH8	chr3:19190016-19577135	0.0548161	0.0230344	-1.25081	1
XLOC_001229	PTD3-AS1	chr1:3569128-3663937	0.0136562	0.00576124	-1.24511	1
XLOC_017388	PCDHGB8P	chr5:140710251-14089254	0.0179054	0.00756031	-1.24388	1
XLOC_009888	LOC653653	chr17:58179120-58180280	0.0612017	0.025867	-1.24246	1
XLOC_008832	DNAH2	chr17:7623038-7737058	0.00523	0.00221085	-1.24221	1
XLOC_011656	FBXO17	chr19:39432041-39466380	0.0399246	0.0168964	-1.24056	1
XLOC_003154	EMX2OS	chr10:119243803-1193090	0.00432271	0.00182953	-1.24046	1
XLOC_000189	RHD	chr1:25598980-25656936	0.117487	0.0497336	-1.24021	1
XLOC_023975	XKRX	chrX:100168430-10018389	0.0361869	0.0153236	-1.23971	1
XLOC_014465	POM121L9P	chr22:24647588-24661492	0.0152184	0.00644922	-1.23862	1
XLOC_020795	TAS2R5	chr7:141490016-14149116	0.332417	0.1411194	-1.23531	1
XLOC_014447	GGTLC2	chr22:22988781-22990368	0.0685276	0.0291379	-1.23379	1
XLOC_005416	MIR1291,SNORA34	chr12:49046994-49076035	3.13532	1.33455	-1.23226	0.922006
XLOC_010253	LOC284276	chr18:74240611-74271784	0.0175655	0.0074885	-1.22999	1
XLOC_011600	KRTDAP	chr19:35978225-35981433	0.832326	0.355046	-1.22914	0.498057
XLOC_002614	CC2D2B	chr10:97471535-97849992	0.0162096	0.00691582	-1.22888	1
XLOC_011066	CD33	chr19:51728334-51743274	0.102189	0.0436719	-1.22646	1
XLOC_007976	ACSM3	chr16:20775311-20860990	0.368796	0.157683	-1.22579	0.936256
XLOC_007960	NOMO3	chr16:16326388-16388668	0.0244108	0.0104418	-1.22515	1
XLOC_018734	TRIM31	chr6:30070673-30080867	0.0344289	0.0147503	-1.22288	1
XLOC_009568	VYN	chr17:26694298-26697373	0.0554594	0.023808	-1.21999	1
XLOC_020635	CTP3A43	chr7:99425635-99464173	0.0145346	0.00625138	-1.21724	1
XLOC_011165	LAIR2	chr19:55014012-55021900	1.49179	0.641706	-1.21707	0.210375
XLOC_017691	GUSBP9	chr5:70516052-70555122	0.0774341	0.033327	-1.21628	1
XLOC_021393	GIMAP6	chr7:150322463-15032973	0.0188137	0.00811008	-1.21399	1
XLOC_009290	ITGB4	chr17:73717515-73753899	0.00880287	0.00379488	-1.21392	1

XLOC_021188	KPNA7	chr7:98771196-98805089	0.0242461	0.0104562	-1.2134	1
XLOC_012256	TLX2	chr2:74741595-74744275	0.0375847	0.016225	-1.21193	1
XLOC_000592	LOC100506343	chr1:112264685-112310195	0.0355356	0.0153537	-1.21068	1
XLOC_003319	SNORA45	chr11:8703994-8711419	3.91455	1.69475	-1.20777	0.927627
XLOC_009936	ABCA9	chr17:66970772-67057136	0.00855163	0.00370236	-1.20776	1
XLOC_000743	CHRN2	chr1:154540256-15455235	0.0139851	0.00606562	-1.20517	1
XLOC_015642	EIF1B-AS1	chr3:39851302-40353915	0.0945608	0.0410148	-1.2051	1
XLOC_004559	MPZL2	chr11:118124130-1181352	0.0103538	0.00449176	-1.20481	1
XLOC_007278	LOC145837	chr15:69854058-69863779	0.0718709	0.0311942	-1.20413	1
XLOC_015464	SOX2	chr3:180774467-18146001	0.0740093	0.0321518	-1.20281	1
XLOC_007644	MEGF11	chr15:66187633-66546075	0.022559	0.00980153	-1.20263	1
XLOC_005198	SNORA49	chr12:132434464-1325650	4.33196	1.88351	-1.2016	0.926446
XLOC_011346	FUT5	chr19:5865836-5870551	0.0803985	0.0349607	-1.20143	1
XLOC_003392	CSTF3-AS1	chr11:33183202-33213142	0.019013	0.00826819	-1.20134	1
XLOC_014431	P2RX6	chr22:21369441-21382302	0.0156224	0.00679576	-1.20091	1
XLOC_017762	HP07349	chr5:108063525-10806396	4.61573	2.00929	-1.19987	0.231003
XLOC_002517	GLUD1P3	chr10:75491298-75495367	0.358756	0.156192	-1.19968	0.165739
XLOC_005418	SNORA2B	chr12:49046994-49076035	3.68989	1.60684	-1.19935	0.933417
XLOC_014340	RIPK4	chr21:43159528-43187249	0.0369791	0.016127	-1.19723	1
XLOC_000471	NEXN	chr1:78354199-78409578	0.0156535	0.00683669	-1.19511	1
XLOC_017021	LOC728175	chr4:185262183-18527513	0.0168068	0.00734673	-1.19387	1
XLOC_007290	ADPGK-AS1	chr15:73043707-73090540	0.0645231	0.0282206	-1.19307	1
XLOC_009759	LINC00854	chr17:41373436-41381062	0.0343364	0.0150201	-1.19285	1
XLOC_017545	SLC9A3	chr5:473333-524549	0.435585	0.190559	-1.19272	0.233946
XLOC_007924	C16orf71	chr16:4746510-4799397	0.10834	0.0473961	-1.19272	1
XLOC_008683	CHST6	chr16:75507021-75528926	0.0310615	0.0135948	-1.19207	1
XLOC_014752	RFP11-AS1	chr22:29833003-29838444	0.00607662	0.00265981	-1.19194	1
XLOC_009775	SLC4A1	chr17:42325757-42345502	0.0230881	0.0101075	-1.19173	1
XLOC_009482	LOC100128288	chr17:8261730-8263859	0.0404577	0.0177146	-1.19148	1
XLOC_002186	LOC643723	chr1:219254316-21934713	0.0177716	0.00779347	-1.18924	1
XLOC_018877	PRPH2	chr6:42664332-42690358	0.0233124	0.010225	-1.18899	1
XLOC_012998	M1AP	chr2:74785009-74785164	0.0269699	0.0118299	-1.18891	1
XLOC_015693	TMEM89	chr3:48658274-48659189	0.142886	0.0627225	-1.18781	1
XLOC_002696	ACSL5	chr10:114133915-1141881	0.0267431	0.0117457	-1.18704	1
XLOC_019193	MLLT4-AS1	chr6:168224569-16822747	0.201715	0.0886946	-1.1854	1
XLOC_000895	GPR52	chr1:174128551-17496444	0.0218019	0.00958806	-1.18514	1
XLOC_010232	SERPINB7	chr18:61420280-61472610	0.0896062	0.0394093	-1.18506	1
XLOC_011994	ZNF154	chr19:58211809-58220579	0.0605938	0.0266737	-1.18376	1
XLOC_018167	TRIM15	chr6:30130982-30140473	0.0220157	0.00971687	-1.17997	1
XLOC_003493	SERPING1	chr11:57365026-57382326	0.0621458	0.0274435	-1.17919	1
XLOC_009198	PPM1E	chr17:56833229-57184266	0.0168074	0.0074234	-1.17894	1
XLOC_002701	CACNA1B	chr9:140772240-14101907	0.00857687	0.00378957	-1.17842	1
XLOC_000093	TNFRSF1B	chr1:12227059-12269277	0.0114221	0.00504819	-1.17798	1
XLOC_017211	CMYA5	chr5:78985658-79096049	0.00200023	0.000884597	-1.17708	1
XLOC_024005	RIPPLY1	chrX:106143292-10617409	0.0692693	0.0306416	-1.17672	1
XLOC_012708	CHRG	chr2:233404436-23341103	0.0207586	0.00918391	-1.17653	1
XLOC_021463	SLC35G5	chr8:11188494-11189695	0.0848881	0.0375608	-1.17634	1
XLOC_013432	ARL4C	chr2:235401685-23540569	0.224024	0.0992058	-1.17516	1
XLOC_002922	LOC399753	chr10:49218158-49239658	0.142884	0.06331	-1.17434	1
XLOC_003514	OR10V2P	chr11:59516284-59517054	0.0631647	0.0280129	-1.17303	1
XLOC_014262	GRIK1	chr21:30909253-31312282	0.0107764	0.00478165	-1.17229	1
XLOC_014229	DIP2A-IT1	chr21:47878861-47989926	0.100501	0.044616	-1.17158	1
XLOC_015649	CCDC13	chr3:42749873-42814745	0.0132158	0.00586873	-1.17115	1
XLOC_023293	PHEX	chrX:22050920-22266478	0.0102063	0.00453239	-1.17112	1
XLOC_013466	BOK-AS1	chr2:242483800-24251355	0.0699254	0.0310609	-1.17072	1
XLOC_018588	SLC22A3	chr6:160769404-16087361	0.0101485	0.00451228	-1.16934	1
XLOC_011526	INSL3	chr19:17927321-17932383	0.0779497	0.0346993	-1.16764	1
XLOC_023339	MAOA	chrX:43514154-43606071	0.0115291	0.00513229	-1.1676	1
XLOC_021510	TNFRSF10C	chr8:22941867-22974950	1.58567	0.706373	-1.16659	0.116841
XLOC_017008	SPATA4	chr4:177105724-17711682	0.0258655	0.0115304	-1.16559	1
XLOC_001642	GBP2	chr1:89573309-89591799	0.0103143	0.00459995	-1.16496	1
XLOC_009312	TMC8	chr17:76108998-76139049	0.202403	0.0903203	-1.16411	1
XLOC_015591	COL6A4P1	chr3:15206868-15247466	0.0848165	0.0378605	-1.16365	1
XLOC_018092	HIST1H3A	chr6:26020717-26021186	0.521036	0.232596	-1.16356	0.7741
XLOC_010460	LOC100288123	chr19:1815244-1848452	0.248712	0.111083	-1.16284	1
XLOC_018794	HLA-DRB5	chr6:32485153-32498006	0.0709547	0.0317052	-1.16218	1
XLOC_022121	SNX31	chr8:101585111-10166189	0.0254502	0.0113843	-1.16064	1
XLOC_012707	CHRD	chr2:233390869-23340137	0.0288577	0.0129127	-1.16017	1
XLOC_002228	TRIM17	chr1:228595635-22860458	0.0485025	0.021772	-1.15558	1
XLOC_014405	DGCR9	chr22:19005346-19007761	0.0467337	0.0210017	-1.15396	1
XLOC_021199	AZGP1	chr7:99564349-99573735	0.0801311	0.0360652	-1.15176	1
XLOC_022682	C9orf139	chr9:139901685-13993123	0.0127982	0.00576912	-1.14952	1
XLOC_013896	GGTLC1	chr20:23965689-23969416	0.0492412	0.0222096	-1.14868	1
XLOC_015892	GPR156	chr3:119884327-11996314	0.00726462	0.00327983	-1.14727	1
XLOC_016924	CETN4P	chr4:123651343-12365361	0.435314	0.19666	-1.14635	0.539856
XLOC_005878	TSC22D1-AS1	chr13:45006278-45154568	0.164888	0.0746033	-1.14417	1
XLOC_008613	RRAD	chr16:66955581-66959439	0.748663	0.339696	-1.14007	0.323837
XLOC_008268	LINC00311	chr16:85316563-85321685	0.0647549	0.0294395	-1.13723	1
XLOC_002226	C1orf145	chr1:228391206-22856657	0.707985	0.321888	-1.13716	0.816683

XLOC_006827	LINC00520	chr14:56247852-56263392	0.160605	0.0730364	-1.13683	1
XLOC_018382	LOC100506804	chr6:75994729-76001580	0.231685	0.105444	-1.13568	1
XLOC_015150	CACNA1D	chr3:53529075-53846492	0.0124788	0.00567968	-1.1356	1
XLOC_008414	TEK7	chr16:10721360-10788802	0.0530746	0.0241762	-1.13443	1
XLOC_012032	COLEC11	chr2:3642421-3692234	0.669108	0.304922	-1.1338	0.105061
XLOC_010796	ZBTB32	chr19:36203829-36207940	0.121208	0.0552415	-1.13367	1
XLOC_010318	DSC3	chr18:28570051-28622781	0.00375165	0.00171	-1.13353	1
XLOC_013485	SDCBP2-AS1	chr20:1290554-1373816	0.270503	0.123341	-1.133	1
XLOC_021193	CYP3A5	chr7:99245812-99277621	0.0965203	0.0440616	-1.13131	1
XLOC_023011	C9orf84	chr9:114448900-114545775	0.00525036	0.00239778	-1.13072	1
XLOC_007559	DUOXA1	chr15:45406522-45422075	0.03	0.0137137	-1.12934	1
XLOC_000402	LOC100507564	chr1:53692563-53793821	0.227442	0.104009	-1.12879	1
XLOC_007127	C15orf55	chr15:34638065-34649931	0.00914703	0.00418786	-1.12709	1
XLOC_012718	SAG	chr2:234216308-234255701	0.0202565	0.0092867	-1.12515	1
XLOC_002288	C1orf229	chr1:247273461-247275715	0.478629	0.219687	-1.12346	0.366421
XLOC_013028	PLGLB2	chr2:87140934-87248973	0.00907308	0.00416614	-1.12288	1
XLOC_013442	LOC1511171	chr2:239419330-239464140	0.0165249	0.00759629	-1.12128	1
XLOC_005578	CPM	chr12:69244955-69357020	0.0208031	0.00957292	-1.11977	1
XLOC_021560	ADAM32	chr8:38965049-39142436	0.0100205	0.0046115	-1.11964	1
XLOC_015996	HLTF	chr3:148747903-148820610	0.080333	0.0369927	-1.11875	1
XLOC_018702	HIST1H2AK	chr6:27805657-27806117	0.341561	0.157292	-1.1187	1
XLOC_002028	ANKRD45	chr1:173577474-173639001	0.0111724	0.00515065	-1.11711	1
XLOC_023174	LCN10	chr9:139632618-139637411	0.0190009	0.00876043	-1.11699	1
XLOC_013378	PTPRN	chr2:220154344-220174295	0.135674	0.0625939	-1.11605	1
XLOC_016762	GNRHR	chr4:68603098-68621804	0.00438889	0.002026	-1.11522	1
XLOC_009992	ST6GALNAC2	chr17:74561460-74582145	0.169267	0.0781825	-1.11438	1
XLOC_011620	LINC00665	chr19:36803962-36822620	0.113285	0.0523802	-1.11286	1
XLOC_005901	DLEU7-AS1	chr13:51286758-51424041	0.0163553	0.00756419	-1.1125	1
XLOC_021032	RASA4CP	chr7:44068485-44083895	0.211423	0.0978093	-1.11209	1
XLOC_013549	LOC100270804	chr20:18768614-18776709	0.483428	0.223677	-1.11189	0.158467
XLOC_009522	ZNF287	chr17:16453630-16472520	0.00572822	0.00265247	-1.11075	1
XLOC_005738	PLA2G1B	chr12:120759913-12076555	0.0867792	0.0402022	-1.11007	1
XLOC_009912	ERN1	chr17:62120389-62207502	0.192624	0.0892715	-1.10951	1
XLOC_002409	LOC100129055	chr10:38464598-38503273	0.122508	0.0568065	-1.10875	1
XLOC_014222	PCBP3	chr21:47269874-47362368	0.0211733	0.00982057	-1.10837	1
XLOC_012006	A1BG	chr19:58858171-58874214	0.434652	0.20201	-1.10543	0.869283
XLOC_005613	CEP290	chr12:88429267-88535993	0.597926	0.278037	-1.10469	0.507208
XLOC_021769	PSCA	chr8:143751725-143764145	0.787331	0.367071	-1.10091	0.337134
XLOC_000755	TRIM46	chr1:155146262-155157444	0.100894	0.0470488	-1.10062	1
XLOC_017892	CSF1R	chr5:149432853-149492935	0.00969186	0.00452215	-1.09976	1
XLOC_008863	CDRT15P1	chr17:13927814-13928915	0.368784	0.17208	-1.0997	0.529626
XLOC_014418	LOC150197	chr22:20193854-20196060	0.211684	0.0989825	-1.09667	1
XLOC_015539	MF12-AS1	chr3:196728611-196756687	3.04507	1.4256	-1.09491	0.958201
XLOC_013074	SNORD89	chr2:101889397-101889511	8.74477	4.09483	-1.09462	0.851389
XLOC_007747	HOMER2	chr15:83517728-83621476	0.239827	0.112304	-1.09458	1
XLOC_022690	SLC34A3	chr9:140125208-140131006	0.0304163	0.0142545	-1.09342	1
XLOC_012345	SLC9A4	chr2:103089761-103150431	0.0756055	0.0354395	-1.09313	1
XLOC_014318	CBR3-AS1	chr21:37504064-37528606	1.0629	0.49843	-1.09254	0.781453
XLOC_021307	KCP	chr7:128516918-128550775	0.0234114	0.0109798	-1.09235	1
XLOC_000712	LCE1F	chr1:152748847-152749445	0.187511	0.0880229	-1.09103	1
XLOC_003815	C11orf52.HSPB2	chr11:111783459-11179755	0.0579601	0.027219	-1.09044	1
XLOC_011515	CPAMD8	chr19:17003761-17137625	0.0074393	0.00349569	-1.08959	1
XLOC_018687	HIST1H3F	chr6:26250369-26250835	2.45171	1.15247	-1.08906	0.408933
XLOC_000425	L1TD1	chr1:62660473-62678001	0.0274683	0.012912	-1.08905	1
XLOC_004361	DOC2GP	chr11:67380994-67383135	0.130827	0.0615813	-1.08709	1
XLOC_011773	IGFL4	chr19:46543005-46544274	0.0799525	0.0376384	-1.08694	1
XLOC_020975	HOUA2	chr7:27139972-27142394	0.273064	0.128577	-1.08661	1
XLOC_007754	UBE2Q2P1	chr15:85070426-85123412	0.206759	0.0973606	-1.08654	1
XLOC_004658	PRMT8	chr12:3490514-3703138	1.05335	0.497154	-1.08322	0.0723126
XLOC_002977	PRF1	chr10:72357103-72362531	0.089564	0.0422916	-1.08255	1
XLOC_004672	CD27	chr12:6548166-6560884	0.293809	0.138861	-1.08124	1
XLOC_013523	BMP2	chr20:6748744-6760910	0.031332	0.0148144	-1.08064	1
XLOC_015116	SEMA3B	chr3:50305039-50314572	0.789486	0.373667	-1.07916	0.127236
XLOC_005237	SCNN1A	chr12:6456008-6500737	1.03277	0.490085	-1.07542	0.911876
XLOC_008549	LINC00273	chr16:33961051-33962503	0.0674781	0.0320417	-1.07447	1
XLOC_013026	CD8A	chr2:87011727-87035519	0.0610869	0.0290332	-1.07316	1
XLOC_001434	CSMD2	chr1:33979608-34631443	0.0216441	0.010292	-1.07245	1
XLOC_002259	GNG4	chr1:235710984-235814054	0.0383614	0.0182458	-1.0721	1
XLOC_002980	UNC5B-AS1	chr10:72972291-73062635	2.24978	1.07068	-1.07126	0.903682
XLOC_020711	ST7-OT4	chr7:116592500-116870075	0.166884	0.0795363	-1.06916	1
XLOC_016404	C4orf22	chr4:81256873-81884910	2.40322	1.14721	-1.06684	0.0786602
XLOC_022503	ZNF483	chr9:114287446-114362135	0.263044	0.125635	-1.06607	1
XLOC_007899	CLDN9	chr16:3062456-3064506	0.285838	0.136527	-1.06601	1
XLOC_021866	DEFB136	chr8:11831445-11832108	0.419138	0.20058	-1.06324	1
XLOC_006008	LOC100506394	chr13:114567149-11456980	0.324173	0.155338	-1.06136	1
XLOC_001247	TNFRSF9	chr1:7975930-8003225	0.014089	0.00676616	-1.05816	1
XLOC_022770	LRRC19	chr9:26903367-27062931	0.019589	0.00941607	-1.05685	1
XLOC_010192	KATNAL2	chr18:44526786-44628614	0.140654	0.067716	-1.05458	1
XLOC_003652	SYT12	chr11:66790189-66818334	0.0236438	0.0113971	-1.0528	1

XLOC_017386	PCDHB15	chr5:140625146-14062780	0.123598	0.0595994	-1.05228	1
XLOC_014806	C1QTNF6	chr22:37576205-37584330	1.03056	0.496991	-1.05213	0.157287
XLOC_001096	RHOU	chr1:228780393-22888241	0.333676	0.160943	-1.0519	1
XLOC_017685	GUSBP3	chr5:68935289-69006272	0.112718	0.0544279	-1.0503	1
XLOC_014390	LOC101101776	chr22:16162065-16172265	0.133666	0.0645569	-1.04999	1
XLOC_004316	NAALADL1	chr11:64808375-64826009	0.0925065	0.0447108	-1.04893	1
XLOC_011001	FUT2	chr19:49199227-49209191	0.225066	0.108964	-1.0465	1
XLOC_018646	NEDD9	chr6:11183530-11382581	0.0293475	0.0142362	-1.04367	1
XLOC_016975	CTSO	chr4:156845269-15687504	0.257438	0.124989	-1.04242	1
XLOC_022827	OR13J1	chr9:35869459-35870398	0.0530607	0.0257622	-1.04239	1
XLOC_011674	TTC9B	chr19:40721964-40724306	1.75737	0.854899	-1.03959	0.365811
XLOC_013679	PI3	chr20:43803539-43805185	0.0841929	0.0409865	-1.03855	1
XLOC_023561	RGAG1	chrX:109437413-10969956	0.00524644	0.00255572	-1.03761	1
XLOC_008182	C16orf86	chr16:67700716-67702661	0.517009	0.251884	-1.03743	0.483389
XLOC_010136	ANKRD20A5P	chr18:141179095-14227049	0.0880463	0.0429288	-1.03632	1
XLOC_023141	SARDH	chr9:136528683-136605077	0.470559	0.229569	-1.03545	0.17761
XLOC_008484	GSGL1L	chr16:27798849-28074830	0.0272858	0.0133316	-1.0333	1
XLOC_017041	TRIML2	chr4:189012426-18902640	0.488944	0.239013	-1.03258	0.365353
XLOC_012642	SLC11A1	chr2:219246751-219261617	0.232299	0.113566	-1.03245	1
XLOC_015250	CD96	chr3:111260925-11137120	0.0223581	0.0109332	-1.03208	1
XLOC_007557	PATL2	chr15:44957929-44969086	0.218967	0.107335	-1.0286	1
XLOC_009871	RNF43	chr17:56378587-56494931	0.0489159	0.0240165	-1.02628	1
XLOC_004393	PDE2A	chr11:72287183-72385497	0.0932781	0.0458276	-1.02532	1
XLOC_024181	ARHGAP4	chrX:153172829-15319171	0.267168	0.131412	-1.02366	1
XLOC_008869	TBC1D26	chr17:15635590-15648098	0.173561	0.0855275	-1.02098	1
XLOC_010162	DSG3	chr18:29027731-29058665	0.013407	0.00660684	-1.02095	1
XLOC_024045	TMEM255A	chrX:119392504-11944539	0.0432693	0.0213966	-1.01596	1
XLOC_023517	DRP2	chrX:100474932-10051948	0.0325912	0.0161228	-1.01538	1
XLOC_007879	ABCA17P	chr16:2390922-2476700	0.164685	0.0815883	-1.01327	1
XLOC_011525	UNC13A	chr19:17712136-17799008	0.0157474	0.0078059	-1.01248	1
XLOC_013496	EBF4	chr20:2673523-2740754	0.875858	0.435437	-1.00823	0.165928
XLOC_007554	PIN4P1	chr15:44165729-44487429	0.0337531	0.0167817	-1.00813	1
XLOC_015106	BSN	chr3:49591921-49708982	0.0442766	0.0220381	-1.00654	1
XLOC_020732	LEP	chr7:127881330-12789768	0.0227371	0.0113246	-1.00559	1
XLOC_008378	ZSCAN10	chr16:3138894-3142861	0.0306137	0.0152485	-1.00551	1
XLOC_008335	CCDC154	chr16:1484388-1494490	0.351388	0.175068	-1.00515	0.433739
XLOC_009325	CARD14	chr17:78143790-78194199	0.140358	0.0699968	-1.00375	1
XLOC_023984	ZMAT1	chrX:101137259-10118703	0.106049	0.0528962	-1.00349	1
XLOC_021156	LRRD1	chr7:91774197-91794590	0.0414978	0.0207428	-1.00043	1
XLOC_018783	TNXB	chr6:32006092-32077151	0.0396354	0.0198139	-1.00027	1
XLOC_004178	AGBL2	chr11:47681142-47736928	0.0400791	0.0200457	-0.999558	1
XLOC_011966	COX6B2	chr19:55861069-55866182	0.618757	0.309696	-0.998519	0.375577
XLOC_001403	MATN1	chr1:31184123-31199593	0.0837485	0.0419432	-0.997626	1
XLOC_002765	DPYSL4	chr10:134000413-1340192	0.068121	0.0341412	-0.996587	1
XLOC_020843	SSPO	chr7:149473130-14953105	0.0221705	0.0111153	-0.996096	1
XLOC_014691	RIMBP3	chr22:20455993-20461786	0.0702264	0.0352301	-0.995205	1
XLOC_006936	TC2N	chr14:92246266-92333880	0.0180411	0.00907286	-0.991657	1
XLOC_000045	SMIM1	chr1:3689351-3692546	7.25288	3.65409	-0.98904	0.116542
XLOC_014115	JAM2	chr21:27011593-27089874	0.0641118	0.0323218	-0.988082	1
XLOC_018845	TMEM217	chr6:37179953-37300746	0.200942	0.10134	-0.987577	1
XLOC_005112	OAS1	chr12:113344738-1133577	0.0197893	0.00998344	-0.987112	1
XLOC_001341	WNT4	chr1:22443797-22469519	0.393161	0.198381	-0.986849	0.19325
XLOC_003881	GRAMD1B	chr11:123396527-1234935	0.0496226	0.0250522	-0.986061	1
XLOC_007177	MAP1A	chr15:43663312-43910998	0.103219	0.052182	-0.984085	1
XLOC_020465	FLJ35390	chr7:44068485-44083895	0.894791	0.452543	-0.983495	0.489231
XLOC_001710	OVGP1	chr1:111956936-11197039	1.10979	0.561487	-0.982956	0.0908564
XLOC_013191	ACVR1C	chr2:158383278-15848539	0.0138071	0.0069959	-0.980833	1
XLOC_002052	RASAL2-AS1	chr1:178060642-17844864	0.11083	0.0562611	-0.978144	1
XLOC_024075	LOC286467	chrX:130836677-13096467	0.981097	0.498413	-0.977054	0.068174
XLOC_007546	STRC	chr15:43663312-43910998	0.122388	0.062224	-0.975923	1
XLOC_013424	TIGD1	chr2:233412778-23341528	2.20096	1.11951	-0.975267	0.0925999
XLOC_010272	CBX3P2	chr18:2652168-2655394	0.517057	0.263097	-0.974725	0.346589
XLOC_008962	SH3GL1P2	chr17:28903482-28964484	0.115272	0.0587949	-0.971281	1
XLOC_011990	VN1R1	chr19:57966541-57968107	0.352145	0.179644	-0.971026	0.393497
XLOC_007372	DNM1P41	chr15:85045805-85060078	0.334706	0.170927	-0.969508	1
XLOC_010920	ZNF233	chr19:44764032-44779470	0.44684	0.229075	-0.963938	0.132685
XLOC_005562	DPY19L2	chr12:63952692-64062354	0.0112951	0.00580129	-0.961251	1
XLOC_012304	PROM2	chr2:95940200-95957055	0.260074	0.13386	-0.9582	1
XLOC_000883	DNM3	chr1:171810620-172381857	0.0212554	0.0109511	-0.956757	1
XLOC_002166	C1orf74	chr1:209929393-20995789	1.82875	0.943508	-0.954751	0.0862993
XLOC_011060	MGC45922	chr19:51320936-51322134	0.254232	0.131173	-0.954677	1
XLOC_008124	MT1DP	chr16:56677598-56678853	5.8556	3.02305	-0.953811	0.272073
XLOC_010971	NAPA-AS1	chr19:47987538-48018515	3.73123	1.92719	-0.953155	0.945946
XLOC_014424	TMEM191A	chr22:21055401-21058891	0.977502	0.505414	-0.951636	0.229068
XLOC_023769	TMEM27	chrX:15645440-15683154	0.351586	0.181977	-0.950118	0.37325
XLOC_000879	FMO4	chr1:171283485-17131122	0.507426	0.26282	-0.949124	0.281159
XLOC_014793	APOL4	chr22:36585175-36600879	0.0237149	0.012294	-0.947837	1
XLOC_011912	ZNFE14	chr19:52516576-52531680	0.185078	0.0959466	-0.947829	1
XLOC_017248	LOC100289230	chr5:98264837-98266713	0.484869	0.251747	-0.945619	0.33121

XLOC_000006	SAMD11	chr1:861120-894679	1.7999	0.935982	-0.943363	0.958814
XLOC_008008	AQP8	chr16:25228284-25240253	0.131708	0.0685906	-0.941264	1
XLOC_001083	LOC100130093	chr1:227916239-22796893	0.747872	0.389574	-0.940893	0.958814
XLOC_017993	ADAMTS2	chr5:178537851-17877243	0.106835	0.0556526	-0.94086	1
XLOC_016621	MFSD7	chr4:671710-682973	0.308463	0.160717	-0.940577	1
XLOC_011805	CCDC114	chr19:48799708-48823332	0.133059	0.0694246	-0.938543	1
XLOC_004331	EFEMP2	chr11:65627871-65640405	2.45203	1.28222	-0.935332	0.938194
XLOC_015709	LAMB2P1	chr3:49190291-49191834	0.948583	0.496183	-0.934902	0.209943
XLOC_015379	TRPC1	chr3:142443265-14252672	0.151013	0.0790313	-0.934173	1
XLOC_015738	CACNA2D2	chr3:50400230-50540892	0.185806	0.0972846	-0.933514	1
XLOC_011652	RINL	chr19:39358471-39368919	1.12785	0.590715	-0.933039	0.0909525
XLOC_004407	LIPT2	chr11:74202922-74204755	2.48405	1.30105	-0.933017	0.213813
XLOC_021768	BAI1	chr8:143545376-14362636	0.61161	0.320439	-0.932562	0.163378
XLOC_017354	IGIP	chr5:139505520-13950839	1.04385	0.54732	-0.931446	0.0658487
XLOC_008865	HS3ST3B1	chr17:14204505-14249492	0.374496	0.196453	-0.930762	0.929635
XLOC_004304	PYGM	chr11:64513860-64528187	0.0882121	0.0462964	-0.930075	1
XLOC_011084	ZNF880	chr19:52873169-52889046	0.0287018	0.0150828	-0.928235	1
XLOC_007571	ATPB84	chr15:50150434-50411419	0.0318175	0.0167274	-0.927607	1
XLOC_008122	MT1JP	chr16:56669650-56670998	1.80782	0.950594	-0.927346	0.585481
XLOC_009287	SMIM5	chr17:73584138-73663269	0.0606741	0.0319041	-0.927341	1
XLOC_023892	MTRNR2L10	chrX:55207823-55208944	1.70722	0.898685	-0.925762	0.140643
XLOC_005306	TAS2R20	chr12:10998447-11328619	0.315444	0.166388	-0.922828	1
XLOC_014462	LOC391322	chr22:24373116-24374043	2.49607	1.31715	-0.922234	0.368125
XLOC_015951	LOC339874	chr3:130745693-13110031	0.214501	0.113341	-0.920313	1
XLOC_005405	ENDOU	chr12:48103517-48119355	0.0340104	0.0179856	-0.919133	1
XLOC_008463	LOC100271836	chr16:21458003-21513602	0.0737864	0.0390433	-0.91828	1
XLOC_011610	NPHS1	chr19:36316273-36342895	0.0756841	0.0400641	-0.917681	1
XLOC_016815	RASGEF1B	chr4:82348218-82393061	0.0801976	0.0424545	-0.917643	1
XLOC_003661	CARNS1	chr11:67183148-67193078	0.0691663	0.0366165	-0.917576	1
XLOC_004715	A2M-AS1	chr12:9217772-9268558	0.168246	0.0891037	-0.917018	1
XLOC_021550	GPR124	chr8:37654400-37707431	0.0926929	0.0491202	-0.916141	1
XLOC_006050	PAN3-AS1	chr13:28710979-28869475	0.816959	0.433109	-0.915533	0.872554
XLOC_015908	ADCY5	chr3:123001142-12316739	0.0255189	0.0135294	-0.915463	1
XLOC_004385	ALG1L9P	chr11:71498556-71524905	0.184429	0.09781	-0.915012	1
XLOC_002419	ZNF487P	chr10:43932573-43978007	0.430147	0.228389	-0.913334	0.339144
XLOC_002608	CYP2C18	chr10:96443250-96495947	0.020191	0.010731	-0.91193	1
XLOC_007766	HAPLN3	chr15:89420518-89438770	0.88509	0.47046	-0.911751	0.355027
XLOC_021085	LOC441242	chr7:65111923-65235797	0.0711573	0.0378494	-0.910742	1
XLOC_013662	L3MBTL1	chr20:42136319-42170535	0.241311	0.128389	-0.910369	1
XLOC_014303	LOC100288432	chr21:34637936-34638565	1.1708	0.623362	-0.909354	0.585388
XLOC_018787	LOC100507547	chr6:32120578-32145888	2.88041	1.53402	-0.908952	0.873144
XLOC_014589	CSDC2	chr22:41957013-41972670	0.0673315	0.035865	-0.908705	1
XLOC_023287	PHKA2-AS1	chrX:18908413-19002480	0.0853437	0.0454708	-0.908343	1
XLOC_011909	ZNF649	chr19:52392487-52408305	0.157216	0.0837907	-0.907889	1
XLOC_018647	ADTRP	chr6:11713887-11779280	0.344523	0.183707	-0.90719	1
XLOC_013796	TCEA2	chr20:62688438-62703700	0.0913379	0.0488092	-0.904059	1
XLOC_022283	TYRP1	chr9:12693385-12710266	0.0237801	0.0127121	-0.90356	1
XLOC_000483	WDR63	chr1:85527992-85598821	0.0612023	0.0328002	-0.89988	1
XLOC_002935	AGAP7	chr10:51464150-51486327	0.410728	0.220151	-0.899686	0.284553
XLOC_019142	RAET1L	chr6:150341265-15034666	0.072849	0.0390775	-0.898572	1
XLOC_010019	LOC100294362	chr17:78234659-78411884	0.0913462	0.0490749	-0.896359	1
XLOC_015937	LOC653712	chr3:128580350-12859038	0.176489	0.0949639	-0.894123	1
XLOC_021177	LOC100506136	chr7:96250968-96293650	0.0752025	0.0404869	-0.893325	1
XLOC_005088	MYO1H	chr12:109826523-1098861	0.01148	0.0061811	-0.893185	1
XLOC_002130	REN	chr1:204123943-20413546	0.0673247	0.0362533	-0.893023	1
XLOC_002856	LINC00202-1	chr10:27220134-27230930	0.13425	0.0723219	-0.892424	1
XLOC_021785	MAPK15	chr8:144798506-14480463	3.8866	2.09494	-0.891599	0.074638
XLOC_008802	ALOX12	chr17:6888441-6915653	0.0420301	0.0226666	-0.890857	1
XLOC_020515	INTS4L2	chr7:65111923-65235797	0.0646218	0.0348828	-0.889504	1
XLOC_002761	CTAGE7P	chr10:131862161-1319090	0.0575561	0.0311039	-0.887875	1
XLOC_020335	GPFR	chr7:1036622-1177893	0.165557	0.0895243	-0.886973	1
XLOC_014250	LINC00515	chr21:26955086-26955536	0.166813	0.0903064	-0.885333	1
XLOC_013918	DUSP15	chr20:30448869-30458479	0.305493	0.165654	-0.882969	1
XLOC_015718	MST1	chr3:49721379-49726196	2.0733	1.12451	-0.882633	0.128214
XLOC_003640	CNIH2	chr11:66045671-66051685	0.580625	0.315083	-0.881875	0.506721
XLOC_017895	ARSI	chr5:149675908-14968252	0.0529635	0.028748	-0.881536	1
XLOC_017482	NEURL1B	chr5:172068275-17211853	0.380458	0.20651	-0.881266	0.181132
XLOC_001001	MFSD4	chr1:205538111-20557204	0.0772525	0.0419356	-0.881405	1
XLOC_017661	RNF138P1	chr5:54603575-54830873	0.0369983	0.0201113	-0.879452	1
XLOC_015853	LOC100302640	chr3:106828636-10695948	0.173789	0.094545	-0.87826	1
XLOC_012188	PRORSD1P	chr2:55509454-55511607	0.705657	0.383895	-0.878253	0.192415
XLOC_023162	DKFZP434A062	chr9:139216997-13922177	0.0214455	0.0116678	-0.878136	1
XLOC_021238	FBXL13	chr7:102453307-10271528	0.112986	0.0614724	-0.87813	1
XLOC_018376	RIMS1	chr6:72596405-73112845	1.134519	0.0732512	-0.876883	1
XLOC_005256	C1R	chr12:7187514-7245043	0.694585	0.378264	-0.876761	0.248226
XLOC_021742	ZNF572	chr8:125985538-12599163	1.4559	0.793241	-0.876083	0.0547855
XLOC_008722	SNAI3	chr16:88729780-88753594	2.87773	1.5711	-0.873154	0.272094
XLOC_021098	STAG3L3	chr7:72467988-72476448	0.33932	0.185531	-0.870984	1
XLOC_022677	C8G	chr9:139839697-13984142	0.300643	0.164843	-0.866961	1

XLOC_006436	ACOT4	chr14:74058409-74062470	0.0729194	0.0399975	-0.866392	1
XLOC_023784	MAP7D2	chrX:20024830-20135114	0.044725	0.0245469	-0.865541	1
XLOC_021283	FEZF1	chr7:121941447-12195013	0.308748	0.169497	-0.865173	1
XLOC_013966	SNORA71A	chr20:37049238-37064018	8.23686	4.52398	-0.864502	0.958814
XLOC_023935	FAM226A	chrX:72161567-72163589	0.630459	0.34638	-0.864045	0.305621
XLOC_020799	MTRNR2L6	chr7:142374130-14237552	0.953948	0.524368	-0.863329	0.207314
XLOC_013529	SLX4IP	chr20:10415950-10604027	0.313808	0.172498	-0.863305	1
XLOC_013630	CNBD2	chr20:34556528-34618622	0.124468	0.0684331	-0.86301	1
XLOC_002516	DNAJC9-AS1	chr10:75007124-75118617	0.0338768	0.0186272	-0.862887	1
XLOC_021275	ST7-AS1	chr7:116592500-11687007	5.72095	3.14568	-0.862884	0.61004
XLOC_010518	CAPS	chr19:5914192-5978320	2.32425	1.27914	-0.861594	0.898214
XLOC_009957	GRIN2C	chr17:72838167-72856007	0.214979	0.118313	-0.861593	1
XLOC_014056	SYCP2	chr20:58438617-58507209	0.0467412	0.0257549	-0.859845	1
XLOC_006884	HEATR4	chr14:73945188-74025651	0.036763	0.0202887	-0.857581	1
XLOC_022911	GAS1	chr9:89559276-89562104	0.759258	0.419281	-0.856672	0.297857
XLOC_001854	S100A4	chr1:153516094-15351828	0.896185	0.49517	-0.855873	0.591558
XLOC_022491	LOC286367	chr9:107536632-10754004	0.627027	0.346731	-0.854712	0.159417
XLOC_012685	DAW1	chr2:228736326-22878902	0.0748939	0.0414386	-0.853874	1
XLOC_007819	LOC100134368	chr16:432240-442960	0.34527	0.191168	-0.852882	1
XLOC_008262	ATP2C2	chr16:84402132-84497793	0.0481389	0.0266713	-0.851916	1
XLOC_010880	TMEM91	chr19:41860321-41889987	7.05542	3.91462	-0.849859	0.409651
XLOC_005392	NELL2	chr12:44902057-45307711	0.0137786	0.0076488	-0.849125	1
XLOC_022118	FBXO43	chr8:101145587-10115809	0.132047	0.0733479	-0.848223	1
XLOC_006137	LINC00282	chr13:52387482-52419286	0.0305247	0.0169673	-0.847219	1
XLOC_007707	TYRO3P	chr15:76508628-76603810	0.0771324	0.0428828	-0.846939	1
XLOC_004681	GPR162	chr12:6930962-6936583	5.60028	3.11796	-0.844898	0.0566185
XLOC_011813	NTN5	chr19:49141271-49185502	0.666347	0.371227	-0.843972	0.855053
XLOC_012414	LOC254128	chr2:122407229-12249450	1.71029	0.953458	-0.843002	0.92969
XLOC_001367	LOC646471	chr1:26146396-26159433	0.308396	0.172045	-0.841995	1
XLOC_016494	SPRY1	chr4:124317949-12432491	2.2111	1.23384	-0.841607	0.0637115
XLOC_000359	LOC400752	chr1:45769581-45771291	0.884453	0.493641	-0.841322	0.315472
XLOC_010472	ZNF554	chr19:2819871-2836733	1.38096	0.771616	-0.839716	0.074638
XLOC_002963	ATOH7	chr10:69990351-69991870	0.215943	0.120701	-0.839216	1
XLOC_002594	MARK2P9	chr10:94178417-94179363	0.0574276	0.0321015	-0.839103	1
XLOC_023739	LINC00102	chrX:2527305-2575270	0.0352058	0.0196906	-0.838301	1
XLOC_017384	PCDH18	chr5:140613937-14061710	0.0391528	0.0219031	-0.837981	1
XLOC_009700	KRTAP4-8	chr17:39253233-39254375	0.435031	0.243388	-0.837863	0.650127
XLOC_000442	PDE4B	chr1:66258192-66840262	1.27085	0.711055	-0.837761	0.0640789
XLOC_005479	KRT79	chr12:53215230-53228077	0.375658	0.2104	-0.836287	0.458935
XLOC_014906	DENND6B	chr22:50750391-50765489	3.13873	1.75887	-0.835536	0.102638
XLOC_012540	TTN-AS1	chr2:179059207-17967215	0.207669	0.116386	-0.835368	1
XLOC_005495	HOHAIR	chr12:54356091-54370203	0.581972	0.326212	-0.835139	0.730282
XLOC_016405	BMP3	chr4:81952118-81978685	0.0697427	0.0391276	-0.833854	1
XLOC_007898	LINC00514	chr16:3039054-3044510	0.30729	0.172419	-0.833684	1
XLOC_023939	MAP2K4P1	chrX:72744110-72782921	0.0174237	0.00977856	-0.833355	1
XLOC_004706	CLEC4A	chr12:8276227-8291203	0.658216	0.369734	-0.832073	0.369034
XLOC_009843	COL1A1	chr17:48261456-48279000	0.109894	0.0617957	-0.830528	1
XLOC_002182	USH2A	chr1:215796235-21659673	0.00217029	0.00122056	-0.830339	1
XLOC_012865	LOC100288911	chr2:36581891-36582713	11.1425	6.2711	-0.829279	0.089488
XLOC_023754	GPR143	chrX:9693452-9734005	0.0418261	0.0235584	-0.828163	1
XLOC_002927	VSTM4	chr10:50222332-50323559	0.00749106	0.00422192	-0.827272	1
XLOC_023755	MID1	chrX:10413349-10851809	0.0531878	0.0299871	-0.826755	1
XLOC_012761	LOC728323	chr2:243030843-24310246	0.301675	0.170137	-0.826299	1
XLOC_010184	LOC284260	chr18:39766632-40271389	0.0763242	0.0430742	-0.825315	1
XLOC_001745	TBX15	chr1:119425665-11953217	0.0141214	0.00797725	-0.823923	1
XLOC_002857	ANKRD26	chr10:27293044-27389427	0.253898	0.143506	-0.823135	1
XLOC_011361	C3	chr19:6677845-6720662	0.0229754	0.012988	-0.822905	1
XLOC_011557	LINC00663	chr19:19867180-19887222	1.76464	0.998954	-0.820887	0.113208
XLOC_008439	XYLT1	chr16:17196180-17564738	0.00599211	0.00339239	-0.820759	1
XLOC_003126	COL17A1	chr10:105791045-1058456	0.0100261	0.00569539	-0.815901	1
XLOC_001969	ARHGAP30	chr1:161016731-16103976	0.0545208	0.0309856	-0.815209	1
XLOC_020698	LRRN3	chr7:110303105-11120257	0.0114794	0.0065244	-0.81513	1
XLOC_018403	C6orf164	chr6:88106841-88109459	0.133276	0.0758063	-0.814027	1
XLOC_007402	ZNF774	chr15:90895476-90904715	0.51362	0.292271	-0.813396	0.369887
XLOC_010473	ZNF555	chr19:2841432-2860472	0.507003	0.288538	-0.813234	0.0755921
XLOC_015723	UBA7	chr3:49842637-49851391	0.213594	0.121594	-0.812797	1
XLOC_018259	ARMC12	chr6:35704858-35716685	0.35863	0.204276	-0.811981	0.651258
XLOC_020794	TASC2R4	chr7:141478288-14147918	0.0670828	0.038222	-0.81154	1
XLOC_013755	CDH4	chr20:59827481-60515673	0.0499394	0.0284734	-0.810565	1
XLOC_014845	DNAJB7	chr22:41253084-41328823	0.240613	0.137464	-0.80766	1
XLOC_002845	SKIDA1	chr10:21802408-21814611	0.196715	0.112414	-0.807283	1
XLOC_001978	C1orf192	chr1:161284165-16133767	0.0803187	0.0459215	-0.806566	1
XLOC_018188	HCG27	chr6:31165536-31171745	0.396466	0.227148	-0.803563	0.52114
XLOC_015237	ZPLD1	chr3:102153858-10219868	0.0174108	0.00998687	-0.801875	1
XLOC_008640	SMPD3	chr16:68392229-68482409	0.403234	0.231349	-0.801543	0.307167
XLOC_009485	RNF222	chr17:8294022-8301144	0.0211931	0.0121662	-0.800714	1
XLOC_002780	CYP2E1	chr10:135340866-1353526	2.11508	1.21464	-0.800189	0.147496
XLOC_011626	ZNF461	chr19:37128282-37157739	0.494647	0.284196	-0.799513	0.240188
XLOC_008497	LOC440354	chr16:29538928-29577540	0.333035	0.191474	-0.79852	1

XLOC_014355	HSF2BP	chr21:44949071-45079374	1.23818	0.712318	-0.797628	0.211887
XLOC_019170	LPAL2	chr6:160887586-160932156	0.287044	0.165136	-0.797617	1
XLOC_022842	LOC100289137	chr9:38540563-38545369	2.89131	1.66356	-0.797448	0.0608269
XLOC_005631	TMCC3	chr12:94960899-95044324	0.00762466	0.00438915	-0.79673	1
XLOC_009181	HLF	chr17:53342320-53402426	0.0668714	0.0385384	-0.795093	1
XLOC_012712	C2orf82	chr2:233734993-233741101	5.75556	3.31845	-0.794447	0.407645
XLOC_008751	SERPINF2	chr17:1646129-1658559	0.161054	0.0929807	-0.792541	1
XLOC_011984	ZNF582	chr19:56894647-56904889	0.0343692	0.0198461	-0.79226	1
XLOC_013014	LOC100630918	chr2:85764589-85766009	2.12052	1.22473	-0.791951	0.23541
XLOC_005323	GPRC5D	chr12:13093708-13103318	0.532052	0.307326	-0.791795	0.6189
XLOC_023537	MORF4L2-AS1	chrX:102930425-10294748	0.156433	0.0904227	-0.790784	1
XLOC_001152	TRIM58	chr1:248020500-24804343	0.0309355	0.0178842	-0.790577	1
XLOC_008298	DPEP1	chr16:89679715-89704839	0.425947	0.24632	-0.790141	0.52259
XLOC_007171	STARD9	chr15:42867856-43013196	0.455388	0.263523	-0.789171	0.0576801
XLOC_007332	AGPHD1	chr15:78799905-78829715	3.49468	2.02259	-0.788954	0.183901
XLOC_015910	MYLK	chr3:123304402-12360314	0.0175888	0.0101799	-0.788934	1
XLOC_010862	ZNF546	chr19:40502942-40523514	0.308886	0.17879	-0.788809	1
XLOC_021804	GPT	chr8:145729464-14573255	0.365783	0.211832	-0.788068	0.654699
XLOC_015155	SPATA12	chr3:56761445-57113336	0.0998408	0.0578653	-0.786931	1
XLOC_021070	SEPT14	chr7:55861236-55930482	0.010958	0.00635243	-0.786601	1
XLOC_000683	ANXA9	chr1:150954498-15096811	0.473833	0.274716	-0.786438	0.44885
XLOC_009014	TBC1D3	chr17:36283959-36295098	0.250294	0.145121	-0.786363	1
XLOC_018052	SYCP2L	chr6:10887063-10974541	0.150795	0.0874615	-0.785868	1
XLOC_003352	MRGPRX3	chr11:18142501-18160027	0.163119	0.0946339	-0.785494	1
XLOC_015013	C3orf35	chr3:37440967-37476988	0.260347	0.151049	-0.785422	1
XLOC_011018	CCDC155	chr19:49891474-49921256	0.0268707	0.0155989	-0.784588	1
XLOC_021389	ZNF467	chr7:149461452-14947029	1.62399	0.943046	-0.784143	0.322381
XLOC_007125	PGBD4	chr15:34394273-34396591	0.593546	0.344745	-0.78383	0.314308
XLOC_017850	TMEM173	chr5:138855112-13886234	0.0604479	0.0351317	-0.782918	1
XLOC_003318	SNORA3	chr11:8703994-87111419	7.50626	4.36506	-0.782091	0.960698
XLOC_007813	HBA2	chr16:222845-223709	0.701856	0.408287	-0.781592	0.791105
XLOC_023889	PFKFB1	chrX:54959566-55024967	0.14554	0.0846872	-0.781201	1
XLOC_019141	RAET1K	chr6:150319154-15032628	2.14772	1.25237	-0.778147	0.11933
XLOC_013107	RGPD8	chr2:113125945-11319122	0.0724226	0.0422346	-0.778015	1
XLOC_004553	TMPRSS13	chr11:117771355-1178001	0.0089768	0.00523706	-0.777444	1
XLOC_016166	IDUA	chr4:972862-998317	4.09883	2.39189	-0.777063	0.184116
XLOC_000450	GNG12-AS1	chr1:68167148-68698284	0.062788	0.0366611	-0.776237	1
XLOC_012339	IL1R1	chr2:102770401-10279633	0.0127045	0.00742	-0.775846	1
XLOC_018320	LOC100132354	chr6:43858764-43905944	0.0244521	0.0142835	-0.775605	1
XLOC_018238	HCG25	chr6:33217312-33239662	0.328991	0.192332	-0.774448	1
XLOC_016251	TAPT1-AS1	chr4:16228285-16259810	0.296045	0.173146	-0.773826	1
XLOC_023520	ARMCX1	chrX:100805513-10080967	0.0867914	0.0507743	-0.773454	1
XLOC_005028	LOC144486	chr12:94853778-94856344	0.188136	0.110064	-0.773435	1
XLOC_004212	SLC43A3	chr11:57174426-57195053	0.227959	0.133418	-0.772819	1
XLOC_000848	PBX1	chr1:164528596-16482106	0.28471	0.166639	-0.772766	1
XLOC_011089	ZNF701	chr19:53073525-53090427	0.169892	0.0995512	-0.771109	1
XLOC_000838	NOS1AP	chr1:162039580-16233981	0.333509	0.19556	-0.770116	1
XLOC_006682	RPPH1	chr14:20811229-20811570	48.9104	28.7177	-0.768204	0.0780546
XLOC_007839	MSLN	chr16:810764-818865	0.0446203	0.026205	-0.767857	1
XLOC_004445	SYTL2	chr11:85405264-85522178	0.83422	0.489942	-0.767816	0.186401
XLOC_004095	USH1C	chr11:17515441-17565963	0.0925351	0.0543742	-0.767079	1
XLOC_006797	C14orf182	chr14:50448429-50474238	0.0450196	0.0264539	-0.767071	1
XLOC_014613	PARVG	chr22:44568835-44603035	0.139961	0.0822783	-0.766445	1
XLOC_023527	BHLHB9	chrX:101975641-10200736	0.187053	0.109972	-0.76631	1
XLOC_010889	CD79A	chr19:42381189-42385439	1.06048	0.623725	-0.765733	0.414075
XLOC_018860	UNC5CL	chr6:40994639-41006938	0.672897	0.395989	-0.764924	0.305208
XLOC_009874	SEPT4	chr17:56597610-56618179	0.476832	0.280694	-0.764482	0.380852
XLOC_009654	C17orf98	chr17:36991340-36997642	0.274354	0.161703	-0.762691	1
XLOC_013110	IL1A	chr2:113531491-11354297	0.035334	0.0208412	-0.761619	1
XLOC_022640	ADAMTS13	chr9:136243283-13632450	4.01456	2.3682	-0.761453	0.85843
XLOC_016838	HSD17B13	chr4:88224940-88244056	0.0979301	0.057775	-0.761305	1
XLOC_005484	CSAD	chr12:53551446-53584654	2.26866	1.33855	-0.761174	0.761735
XLOC_014354	LINC00313	chr21:44881973-44898103	0.137288	0.0810374	-0.760546	1
XLOC_000982	PPFIA4	chr1:203020310-20304786	0.10727	0.063336	-0.760153	1
XLOC_005546	DDIT3	chr12:57881735-57914300	122.472	72.3132	-0.760122	0.290073
XLOC_016660	FLJ36777	chr4:7099150-7105103	0.0202702	0.0119736	-0.759506	1
XLOC_011823	LHB	chr19:49519236-49520347	1.6632	0.982796	-0.758996	0.667938
XLOC_006336	C14orf28	chr14:4536506-45376460	1.47287	0.870371	-0.758924	0.128341
XLOC_017868	PCDH12	chr5:141324529-14133862	0.0204898	0.0121173	-0.757843	1
XLOC_011521	PLVAP	chr19:17462263-17488137	0.0292392	0.0172956	-0.757498	1
XLOC_001509	PTCH2	chr1:45285515-45308616	0.313471	0.185576	-0.756324	1
XLOC_016157	ANKRD18DP	chr3:197784403-19780754	0.12188	0.072204	-0.755309	1
XLOC_018537	STX11	chr6:144471653-14451307	0.271018	0.160645	-0.754508	1
XLOC_010832	CATSPERG	chr19:38826442-38861589	0.192539	0.114192	-0.753684	1
XLOC_005849	STARD13-AS	chr13:33677271-34250932	0.0828734	0.0491681	-0.753186	1
XLOC_007262	SMAD6	chr15:66994673-67074337	1.08378	0.643606	-0.751824	0.481568
XLOC_022639	C9orf96	chr9:136243283-13632450	0.147552	0.0876293	-0.751736	1
XLOC_016466	LRI1T3	chr4:110769357-11079347	0.103186	0.0613131	-0.750979	1
XLOC_017803	GDF9	chr5:132196877-13220047	0.117622	0.069955	-0.749663	1

XLOC_022772	EQTN	chr9:27284653-27297137	0.0620704	0.0369261	-0.749265	1
XLOC_003227	DRD4	chr11:637304-640705	2.13481	1.27186	-0.747162	0.506591
XLOC_009668	GSDMB	chr17:38060847-38074903	2.08271	1.24115	-0.746779	0.188519
XLOC_004526	CRYAB	chr11:111779349-11178247	0.238816	0.142418	-0.745771	1
XLOC_005535	SDRC97	chr12:57316937-57328189	0.0301311	0.0179748	-0.745278	1
XLOC_006512	DICER1-AS1	chr14:95624024-95646270	3.40076	2.02996	-0.744411	0.277248
XLOC_018710	ZKSCAN4	chr6:28212489-28220002	1.81903	1.08613	-0.743976	0.147496
XLOC_018018	TRIM52	chr5:180683385-180688115	1.95638	1.1683	-0.743781	0.119771
XLOC_001185	FAM41C	chr1:803450-812182	0.54673	0.326635	-0.743149	0.474273
XLOC_010826	ZNF540	chr19:38039850-38105079	0.205854	0.123021	-0.74272	1
XLOC_013781	COL20A1	chr20:61924537-61962285	0.0192264	0.0115038	-0.740977	1
XLOC_013300	FONG	chr2:200625258-200715895	1.3248	0.793049	-0.740296	0.503305
XLOC_017261	STAR4-AS1	chr5:110834021-111353003	0.0149951	0.00898332	-0.73917	1
XLOC_011867	NAPSA	chr19:50861733-50868931	0.0971325	0.0582092	-0.738707	1
XLOC_021775	GPIHBP1	chr8:144295067-144299044	0.0868418	0.0520612	-0.738181	1
XLOC_012156	LOC100129726	chr2:43454349-43455994	0.0379265	0.022737	-0.738165	1
XLOC_000620	FAM46C	chr1:118148603-118171017	0.355871	0.213354	-0.738106	0.289884
XLOC_013058	ANKRD36B	chr2:98121260-98206428	0.394221	0.236432	-0.737558	0.206979
XLOC_011532	KIAA1683	chr19:18367905-18385319	0.0344094	0.0206417	-0.737242	1
XLOC_007685	SEMA7A	chr15:74701629-74726299	0.309077	0.185469	-0.736784	1
XLOC_007849	BAlAP3	chr16:1383605-1401873	2.06389	1.23949	-0.735618	0.827004
XLOC_019095	ALDH8A1	chr6:135238527-135271260	0.137105	0.0823627	-0.735221	1
XLOC_023275	CA5B	chrX:15756411-15805748	0.909138	0.546563	-0.734111	0.237032
XLOC_008006	LOC554206	chr16:25043061-25044098	0.896319	0.539118	-0.733411	0.527104
XLOC_012378	ZC3H6	chr2:113033177-113097640	0.159699	0.0960739	-0.73314	1
XLOC_011615	CLIP3	chr19:36505561-36523797	0.368528	0.221762	-0.732763	0.407645
XLOC_011996	ZNF552	chr19:58318449-58326281	1.77731	1.07108	-0.730633	0.134521
XLOC_014154	KCNE2	chr21:35736322-35743440	0.295876	0.178441	-0.729546	1
XLOC_018972	FAM46A	chr6:82455446-82464248	0.562347	0.339226	-0.729211	0.200886
XLOC_021384	ZNF786	chr7:148766732-148787865	3.28823	1.98434	-0.72865	0.0732879
XLOC_007510	PLCB2	chr15:40580097-40600174	0.229479	0.138552	-0.72793	1
XLOC_012046	KLF11	chr2:10183681-10194963	2.2357	1.35006	-0.727704	0.064193
XLOC_021656	CA3	chr8:86351055-86361267	0.657516	0.397358	-0.726587	0.422156
XLOC_018908	PTCHD4	chr6:47845763-48036425	0.139903	0.0845818	-0.726005	1
XLOC_010540	C19orf59	chr19:7741942-7744719	0.0362469	0.0219192	-0.725662	1
XLOC_011940	TMC4	chr19:54663833-54676944	0.576522	0.348636	-0.725656	0.508132
XLOC_017173	LOC441081	chr5:69776869-69881549	0.233518	0.141265	-0.725128	1
XLOC_009797	ARL17A,ARL17B	chr17:44372496-44439163	0.267201	0.161772	-0.723968	1
XLOC_015944	EFCAB12	chr3:129120163-129147494	0.108557	0.0657302	-0.723819	1
XLOC_015291	CSTA	chr3:122044010-122060815	0.587907	0.356104	-0.723288	0.641082
XLOC_000241	MATN1-AS1	chr1:31184123-31199593	1.33601	0.81014	-0.721689	0.355027
XLOC_018826	SPDEF	chr6:34505578-34524110	0.0447119	0.0271156	-0.721537	1
XLOC_013398	IRS1	chr2:227596032-227663500	0.63798	0.386923	-0.721464	0.13292
XLOC_021385	ZNF425	chr7:148799877-148823430	0.608276	0.369016	-0.721045	0.333586
XLOC_015094	FBXW12	chr3:48413708-48436190	0.0767724	0.0466021	-0.720193	1
XLOC_002638	ABCC2	chr10:101542462-10161166	0.151863	0.0922019	-0.719905	1
XLOC_014337	PLAC4	chr21:42539727-42648524	0.0871421	0.0529286	-0.719321	1
XLOC_018398	NT5E	chr6:86159301-86205509	1.07374	0.652612	-0.718351	0.163378
XLOC_004770	C12orf39	chr12:21679255-21684210	0.119504	0.0726438	-0.718146	1
XLOC_019198	WDR27	chr6:169857302-170102155	1.49207	0.907026	-0.7181	0.17761
XLOC_020680	LRRC17	chr7:102453307-102715288	0.0668105	0.040627	-0.717637	1
XLOC_010606	ZNF763	chr19:12075868-12091198	0.788641	0.479695	-0.717251	0.23541
XLOC_0007834	RHBDL1	chr16:726074-728267	2.29943	1.39992	-0.715928	0.319972
XLOC_000783	NTRK1	chr1:156776034-156851642	0.0614846	0.0374628	-0.714768	1
XLOC_000765	MSTO2P	chr1:155715558-155826972	0.291454	0.177651	-0.71422	1
XLOC_005307	TAS2R19	chr12:10998447-11328619	0.0839648	0.0511841	-0.714088	1
XLOC_011083	ZNF610	chr19:52839497-52870376	0.0413178	0.0251972	-0.713499	1
XLOC_008169	FBXL8,HSF4	chr16:67193890-67203848	11.0284	6.73287	-0.711926	0.117923
XLOC_022490	NIPSNAP3B	chr9:107526450-107536297	0.52155	0.318646	-0.71085	0.48098
XLOC_007507	BMF	chr15:40380090-40401085	0.448628	0.274139	-0.710612	0.296574
XLOC_015365	C3orf72	chr3:138666075-138672830	0.0128131	0.0078304	-0.710459	1
XLOC_010151	CABYR	chr18:21718954-21741564	0.685833	0.419334	-0.709755	0.463307
XLOC_003096	SEC31B	chr10:102246402-10227955	0.573996	0.35096	-0.709734	0.264637
XLOC_000157	LOC100506801	chr1:21543739-21672034	0.0930108	0.0569263	-0.708304	1
XLOC_000603	AP4B1-AS1	chr1:114356432-114447747	0.0263542	0.0161307	-0.708219	1
XLOC_008810	ACAP1	chr17:7239847-7254793	0.734719	0.44971	-0.708198	0.381075
XLOC_010517	VMAC	chr19:5904851-5910263	1.24781	0.764314	-0.707158	0.398607
XLOC_017387	PCDHGA1,PCDHGA10,PCDHGA11	chr5:140710251-140892548	7.60588	4.66157	-0.7063	0.0885273
XLOC_005135	PXN-AS1	chr12:120639093-12070357	2.91921	1.79018	-0.705471	0.967901
XLOC_021922	PNMA2	chr8:26362195-26371483	0.0142082	0.0087145	-0.705233	1
XLOC_022878	KLF9	chr9:72999512-73029573	1.73582	1.06476	-0.70508	0.0938606
XLOC_008482	IL21R-AS1	chr16:27413482-27464714	0.0692484	0.0424865	-0.704775	1
XLOC_008062	CTF1	chr16:30907927-30914881	0.547849	0.336213	-0.704406	0.690353
XLOC_022619	PPAPDC3	chr9:134165080-134184645	0.341788	0.209962	-0.702972	1
XLOC_018131	HIST1H4J	chr6:27791902-27792258	1.15115	0.707267	-0.702746	0.852947
XLOC_014208	C21orf90	chr21:45917774-46131495	1.08481	0.666754	-0.702208	0.525686
XLOC_0003839	BACE1-AS	chr11:117103403-11718697	0.88715	0.545354	-0.701983	0.970053
XLOC_000035	PLCH2	chr1:2407753-2436964	0.072149	0.0443705	-0.701377	1
XLOC_022761	IFNE	chr9:21454266-21559697	0.0814673	0.0501076	-0.701193	1

XLOC_003036	ACTA2	chr10:90694830-90775542	3.10413	1.91007	-0.700562	0.614583
XLOC_000571	GSTM2	chr1:110210643-11022661	0.169107	0.104142	-0.699387	1
XLOC_005982	LINC00460	chr13:107028910-1070301	0.741595	0.456726	-0.699303	0.602912
XLOC_014625	MIR4763,MIRLET7A3,MIRL1	chr22:46481876-46509808	0.846815	0.521611	-0.699074	0.788214
XLOC_018155	OR2H2	chr6:29555682-29556745	0.237248	0.146169	-0.69876	1
XLOC_002751	LOC283038	chr10:127371811-1274080	0.0596687	0.0367679	-0.698526	1
XLOC_022850	KGFLP2	chr9:41958801-42019584	0.167215	0.10305	-0.69836	1
XLOC_016389	SHROOM3	chr4:77356252-77704405	0.015222	0.00938127	-0.698302	1
XLOC_014817	SLC16A8	chr22:38474143-38479170	0.0725994	0.0447568	-0.697851	1
XLOC_011563	ZNF737	chr19:20720797-20748626	0.751877	0.463886	-0.696728	0.0873591
XLOC_017582	DNAH5	chr5:13690436-13944589	0.022675	0.0139939	-0.696297	1
XLOC_010865	SPTBN4	chr19:40973125-41082365	0.174158	0.107508	-0.695951	1
XLOC_016990	GK3P	chr4:166128769-16624430	0.049427	0.0305213	-0.695485	1
XLOC_008771	SPNS2	chr17:4402128-4458681	1.24156	0.766897	-0.695049	0.915715
XLOC_011565	ZNF708	chr19:21473962-21512212	1.17656	0.726903	-0.694745	0.137767
XLOC_015616	NEK10	chr3:27257096-27410912	0.0221246	0.0136744	-0.694175	1
XLOC_000980	LOC148709	chr1:202830881-20284436	0.332441	0.205614	-0.693157	1
XLOC_019173	AGPAT4-IT1	chr6:161551056-16169510	0.0315675	0.019529	-0.692819	1
XLOC_002585	KIF20B	chr10:91461366-91534700	1.12025	0.693759	-0.691313	0.0963541
XLOC_001318	AKRL7	chr1:19592475-19600568	2.0049	1.24194	-0.690929	0.174284
XLOC_024067	APLN	chrX:128779235-12878893	4.52602	2.80378	-0.690872	0.0912351
XLOC_023198	EXD3	chr9:140201347-14031771	2.38661	1.47942	-0.689931	0.215748
XLOC_004176	C1QTNF4	chr11:47611215-47615961	0.688021	0.426633	-0.689455	0.785515
XLOC_022158	LOC100131726	chr8:124194751-12422231	0.116106	0.0719995	-0.689387	1
XLOC_001741	TRIM45	chr1:117653676-11766441	0.476229	0.295406	-0.688954	0.386954
XLOC_015731	HYAL1	chr3:50337319-50349812	0.0536853	0.0333031	-0.688869	1
XLOC_018046	LOC100130275	chr6:10396915-10419797	2.55675	1.58706	-0.687955	0.822284
XLOC_007482	FMN1	chr15:33057746-33360085	0.0787845	0.0489298	-0.687198	1
XLOC_016690	KCNIP4	chr4:20730238-21950374	0.25656	0.159362	-0.686992	1
XLOC_003099	PDZD7	chr10:102756863-1027909	2.48227	1.5427	-0.686199	0.928653
XLOC_012113	FOSL2	chr2:28615778-28637516	6.07104	3.77347	-0.686053	0.066512
XLOC_011204	ZNF582-AS1	chr19:56950544-56910544	0.039389	0.0244975	-0.685156	1
XLOC_017676	ADAMTS6	chr5:64444562-64777704	0.0504429	0.031377	-0.684946	1
XLOC_024032	SLC25A5-AS1	chrX:118599995-11860535	0.445572	0.277173	-0.684872	0.964222
XLOC_020456	C7orf10	chr7:40174574-40900366	0.464944	0.289318	-0.684401	0.506539
XLOC_004352	CLCF1	chr11:67085309-67159158	6.10468	3.79952	-0.6841	0.606953
XLOC_003730	MYO7A	chr11:76839309-76926286	0.185476	0.115565	-0.682534	1
XLOC_001184	LINC00115	chr1:761585-762902	1.96015	1.22224	-0.681439	0.366979
XLOC_013163	TMEM163	chr2:135213329-13547657	0.0296979	0.0185243	-0.680945	1
XLOC_020464	SPDYE1	chr7:43966034-44058748	0.137142	0.0855892	-0.680165	1
XLOC_019149	RGS17	chr6:153332031-15345238	0.057189	0.0356956	-0.679992	1
XLOC_012319	LOC100506123	chr2:97948228-97957632	0.749349	0.467915	-0.67939	0.275732
XLOC_012734	KLHL30	chr2:239047362-23906154	0.0411939	0.0257257	-0.679218	1
XLOC_000198	FAM110D	chr1:26485510-26489119	0.685633	0.428221	-0.67908	0.691839
XLOC_021045	MYO1G	chr7:45002259-45018704	0.0207232	0.0129434	-0.679034	1
XLOC_023437	FAAH2	chrX:57313109-57515629	1.0277	0.642093	-0.678567	0.300705
XLOC_017073	LOC100505738,MIR4458	chr5:8457799-8463209	3.41631	2.13451	-0.678532	0.158666
XLOC_016658	CCDC96	chr4:6911170-7059677	0.669961	0.419446	-0.675592	0.974044
XLOC_011707	CNFN	chr19:42891170-42894444	5.43863	3.40527	-0.675474	0.483752
XLOC_014361	LRRRC3-AS1	chr21:45870868-45875167	0.0817862	0.0512105	-0.675418	1
XLOC_010608	ZNF788	chr19:12203077-12225494	0.0749589	0.0469485	-0.675021	1
XLOC_015072	CCR9	chr3:45864809-45957216	0.0196559	0.012311	-0.675015	1
XLOC_010426	HCN2	chr19:589892-617159	0.0685842	0.0429704	-0.674532	1
XLOC_020544	WBSCR28	chr7:73275488-73280223	0.0783229	0.0490816	-0.674251	1
XLOC_011235	ZNF586	chr19:58281019-58291984	0.552058	0.345957	-0.674225	0.407326
XLOC_013233	MLK7-AS1	chr2:173940564-17414676	0.0495007	0.0310405	-0.6733	1
XLOC_009577	PROCA1	chr17:27030533-27038872	0.9627	0.603684	-0.673294	0.525846
XLOC_014551	GALR3	chr22:38219388-38221502	1.4357	0.900715	-0.672613	0.669697
XLOC_011834	SLC6A16	chr19:49792891-49828474	0.274097	0.172022	-0.672097	1
XLOC_004876	LOC100652999	chr12:53901639-54020199	0.148301	0.0930794	-0.671991	1
XLOC_010267	C18orf56	chr18:596997-712662	8.65143	5.43062	-0.671821	0.912767
XLOC_023268	TCEANC	chrX:13671306-13682247	0.320535	0.20132	-0.670993	1
XLOC_008828	SHBG	chr17:7494547-7536700	0.730786	0.459106	-0.670622	0.915696
XLOC_021784	BREA2	chr8:144779284-14478058	0.618137	0.38843	-0.670272	0.69673
XLOC_001880	DCST2	chr1:154991002-15500625	0.133632	0.0839926	-0.669932	1
XLOC_006343	KLHDC1	chr14:50159822-50219870	0.0715895	0.0450262	-0.668983	1
XLOC_001508	TCTEX1D4	chr1:45266035-45272957	0.0715529	0.0450197	-0.668453	1
XLOC_006066	N4BP2L2-IT2	chr13:33006929-33112936	0.311569	0.196098	-0.667982	1
XLOC_021322	FLJ43663	chr7:130628918-13079356	5.32052	3.34994	-0.66743	0.0838642
XLOC_012505	SP5	chr2:171571856-17157449	1.09675	0.690684	-0.667138	0.580086
XLOC_009134	EFCAB13	chr17:45401326-45518677	0.0395945	0.0249543	-0.666012	1
XLOC_013920	TSPY26P	chr20:30776948-30778163	0.070661	0.0445573	-0.665252	1
XLOC_005754	LOC338799	chr12:122233172-1222413	2.9537	1.865	-0.663345	0.294361
XLOC_004696	C1S	chr12:7167979-7178335	0.397642	0.251116	-0.663117	0.443332
XLOC_000321	CCDC30	chr1:43000559-43120335	0.0461097	0.0291325	-0.662442	1
XLOC_020809	TMEM139	chr7:142982039-14298514	0.0913435	0.0577239	-0.662132	1
XLOC_022648	COL5A1	chr9:137533651-13773668	0.0154691	0.00978645	-0.660534	1
XLOC_009437	PITPNM3	chr17:6354582-6459877	0.206196	0.130459	-0.660414	1
XLOC_011616	THAP8	chr19:36525886-36545664	4.14799	2.62636	-0.659348	0.202966

XLOC_017969	HK3	chr5:176237559-17632633	0.0225105	0.0142601	-0.658616	1
XLOC_009857	C17orf67	chr17:54869273-54911256	1.69869	1.07616	-0.658529	0.268118
XLOC_017989	CLK4	chr5:178029664-17805405	4.65538	2.94994	-0.658214	0.0730091
XLOC_010100	DLGAP1-AS1	chr18:3496029-4455266	2.45947	1.55949	-0.657269	0.373764
XLOC_005536	RDH16	chr12:57345215-57351418	0.263535	0.16736	-0.655045	1
XLOC_010947	GIPR	chr19:46171501-46185717	0.614236	0.390104	-0.654932	0.595511
XLOC_017741	POU5F2	chr5:92919042-93447404	0.0493632	0.0313531	-0.654829	1
XLOC_014855	TNFRSF13C	chr22:42321035-42322821	1.54489	0.981352	-0.65466	0.596611
XLOC_021369	CTAGE6P	chr7:143452181-14345484	0.0636798	0.0404703	-0.653972	1
XLOC_007981	CRYM-AS1	chr16:21269838-21329912	0.205815	0.130845	-0.653492	1
XLOC_010729	LOC400680	chr19:21666516-21686040	0.571369	0.363397	-0.652875	0.318762
XLOC_023045	C5	chr9:123714613-12381255	0.376813	0.239798	-0.652032	0.323343
XLOC_020845	ATP6V0E2	chr7:149564782-14957778	0.0314429	0.0200135	-0.651757	1
XLOC_010248	CNDP1	chr18:72201691-72252261	0.0749418	0.0477049	-0.651634	1
XLOC_002632	GOLGA7B	chr10:99609994-99790585	0.199389	0.126952	-0.651295	1
XLOC_011529	RAB3A	chr19:18307610-18314874	2.32929	1.48528	-0.649154	0.337134
XLOC_006851	ESR2	chr14:64693750-64805268	0.0667539	0.0425948	-0.648175	1
XLOC_010789	GAPDHS	chr19:36024313-36038429	0.246488	0.157358	-0.647462	1
XLOC_004228	LPXN	chr11:58294343-58345639	1.44156	0.920309	-0.647446	0.332919
XLOC_011593	ZNF599	chr19:35248978-35264134	0.321275	0.205134	-0.64724	1
XLOC_004708	FAM66C	chr12:8332804-8353596	0.0403408	0.0257652	-0.646814	1
XLOC_015122	DOCK3	chr3:50712671-51421629	0.0406099	0.0259495	-0.646128	1
XLOC_019164	LOC100129518	chr6:160181290-16021073	0.275292	0.176171	-0.643989	1
XLOC_001663	F3	chr1:94994731-95007413	3.2044	2.05114	-0.643628	0.159812
XLOC_004679	LAG3	chr12:6881669-6887621	0.116228	0.0744012	-0.643564	1
XLOC_008523	ZNF785	chr16:30591993-30597092	1.21647	0.77902	-0.642973	0.3074
XLOC_005209	ZNF10	chr12:133707213-1337360	2.41384	1.5464	-0.64241	0.0947123
XLOC_023119	FIBCD1	chr9:133777824-13381445	5.79228	3.71227	-0.641829	0.131187
XLOC_020784	TBXAS1	chr7:139478046-13972012	0.266227	0.170709	-0.641118	1
XLOC_002561	ADIRF,AGAP11	chr10:88728187-88769960	54.4136	34.8988	-0.640789	0.068174
XLOC_011830	NTF4	chr19:49564396-49567124	1.48743	0.954064	-0.640666	0.605597
XLOC_013732	TFAP2C	chr20:55204357-55214338	0.478353	0.306958	-0.640034	0.536951
XLOC_014719	DERL3	chr22:24129149-24181199	1.76214	1.13079	-0.639992	0.957925
XLOC_010914	ZNF284	chr19:44576296-44591623	0.774791	0.497216	-0.639936	0.370038
XLOC_011226	ZNF773	chr19:58011308-58019510	1.13487	0.728298	-0.639924	0.318762
XLOC_016735	TEC	chr4:48137799-48271814	1.0624	0.681817	-0.639865	0.241608
XLOC_007358	GOLGA6L9	chr15:83098709-83108111	0.195676	0.12559	-0.639745	1
XLOC_013252	LOC100130691	chr2:178148235-17825741	0.118773	0.0762348	-0.639681	1
XLOC_011552	PBX4	chr19:19672515-19729725	1.53381	0.984568	-0.639558	0.449724
XLOC_018070	FAM8A1	chr6:17600517-17611950	1.4093	0.904797	-0.63931	0.152398
XLOC_020876	LOC202781	chr7:154795142-15479741	8.75277	5.62151	-0.638782	0.066512
XLOC_000985	PRELP	chr1:203444882-20346047	0.00935845	0.00601138	-0.638572	1
XLOC_014623	LOC730668	chr22:46402495-46406657	0.0597829	0.0384196	-0.637891	1
XLOC_004967	TBC1D30	chr12:65218351-65274798	0.0913123	0.0586843	-0.637835	1
XLOC_003105	FGF8	chr10:103529886-1035401	1.17792	0.75716	-0.637573	0.63816
XLOC_001222	LOC100133445	chr1:2487207-2495267	1.67543	1.07703	-0.637468	0.92073
XLOC_012374	BCL2L11	chr2:111878490-11192602	2.60225	1.67305	-0.637276	0.134248
XLOC_007395	WDR93	chr15:90234027-90286869	0.0465988	0.0299633	-0.637095	1
XLOC_018326	TMEM151B	chr6:44238479-44247182	0.0660188	0.0424514	-0.637064	1
XLOC_012390	LOC654433	chr2:113973573-11403649	3.92616	2.52494	-0.636873	0.660874
XLOC_015027	TTC21A	chr3:39149151-39180394	0.27228	0.1754	-0.634441	1
XLOC_010605	ZNF700	chr19:12035882-12061588	3.98821	2.56949	-0.634262	0.0875912
XLOC_010481	CELF5	chr19:3224700-3297073	0.402506	0.25939	-0.63389	0.541784
XLOC_005153	WDR66	chr12:122356462-1224418	0.147587	0.0951193	-0.63376	1
XLOC_002410	HSD17B7P2	chr10:38645307-38667433	0.85698	0.552399	-0.633549	0.51921
XLOC_015137	DNAH1	chr3:52350334-52434513	0.178584	0.115125	-0.633404	1
XLOC_009165	ACSF2	chr17:48503518-48552200	7.10906	4.58437	-0.632935	0.0844105
XLOC_022042	SBSPON	chr8:73976777-74005507	0.317516	0.204885	-0.632017	1
XLOC_015759	TNNC1	chr3:52485106-52488057	0.590065	0.380788	-0.631885	0.746773
XLOC_015870	CCDC80	chr3:112323408-11235997	1.66715	1.07598	-0.631739	0.178765
XLOC_013609	ACTL10	chr20:32244892-32262264	2.73584	1.76584	-0.631631	0.908288
XLOC_005098	RAD9B	chr12:110940004-1109698	0.493222	0.31849	-0.63099	0.544179
XLOC_011749	TRAPPC6A	chr19:45666185-45681501	35.0698	22.6526	-0.630555	0.0914856
XLOC_0011275	GAMT	chr19:1397024-1401569	0.265317	0.171537	-0.629204	1
XLOC_000835	FCRLB	chr1:161692456-16169793	0.404488	0.261542	-0.629057	0.742477
XLOC_007446	LOC646214	chr15:21932513-21940739	0.233399	0.150994	-0.628305	1
XLOC_007972	C16orf62	chr16:19566736-19712485	0.0370217	0.0239527	-0.628183	1
XLOC_011701	POU2F2	chr19:42590261-42636625	0.101659	0.0658127	-0.627303	1
XLOC_012506	LOC100505695	chr2:171627603-17163475	3.94699	2.55578	-0.626992	0.330501
XLOC_001348	TCEA3	chr1:23707554-23751261	0.0433582	0.0281027	-0.625595	1
XLOC_002907	BMS1P5	chr10:46737612-46762892	0.225157	0.146011	-0.624854	1
XLOC_017380	PCDHB11	chr5:140579347-14058261	0.304174	0.197255	-0.624836	1
XLOC_021672	SLC26A7	chr8:92261515-92410378	0.00992127	0.00643737	-0.624053	1
XLOC_004886	FLJ12825	chr12:54452037-54516018	0.161121	0.104546	-0.624016	1
XLOC_016714	SMIM14	chr4:39529458-39640481	1.9449	1.26215	-0.623821	0.644266
XLOC_020560	TRIM74	chr7:75024902-75034888	0.638253	0.414218	-0.623737	0.65754
XLOC_021945	LOC100128750	chr8:30239634-30429734	0.694885	0.450974	-0.62373	0.965515
XLOC_009516	CDRT1	chr17:15491976-15523018	0.0736757	0.0478526	-0.622593	1
XLOC_003825	ANKK1	chr11:113258512-1132711	0.206459	0.134134	-0.622176	1

XLOC_008292	CDH15	chr16:89238162-89261900	0.719522	0.467508	-0.622048	0.525846
XLOC_009887	LOC645638	chr17:58160926-58165828	0.154733	0.10064	-0.620581	1
XLOC_010602	ZNF440	chr19:11925106-11946016	2.68687	1.74843	-0.619864	0.0957181
XLOC_016537	DKFZP43410714	chr4:153457415-153460411	0.967105	0.630151	-0.617977	0.332289
XLOC_015632	PLCD1	chr3:38048986-38071154	4.3659	2.84739	-0.616664	0.146724
XLOC_021248	LOC100216546	chr7:104622193-104631612	0.169706	0.110722	-0.616096	1
XLOC_023281	REPS2	chrX:16964813-17171403	0.504735	0.329367	-0.615831	0.25146
XLOC_008694	PKD1L2	chr16:81134483-81253975	0.0990562	0.0646434	-0.615745	1
XLOC_015695	CELSR3	chr3:48673895-48700348	1.15213	0.751927	-0.615644	0.56677
XLOC_015794	FHIT	chr3:59735035-61237133	15.4794	10.1045	-0.615353	0.115185
XLOC_003975	KCNQ1OT1	chr11:2466220-2870340	0.0718505	0.046904	-0.615288	1
XLOC_009728	KRT17	chr17:39775691-39780882	0.405346	0.26471	-0.614744	0.718598
XLOC_001421	MTMR9LP	chr1:32697260-32707311	3.10682	2.02891	-0.614733	0.25971
XLOC_014946	LINC00852	chr3:10290176-10335133	0.98889	0.645834	-0.614646	0.973723
XLOC_014235	C21orf15	chr21:15215453-15220685	0.392798	0.256554	-0.614522	0.745168
XLOC_011218	ZNF460	chr19:57791852-57805436	0.440417	0.287752	-0.614046	0.449166
XLOC_022695	NOXA1	chr9:140317846-140335901	8.49523	5.55177	-0.613705	0.201781
XLOC_012090	MAPRE3	chr2:27193524-27250087	1.30125	0.850906	-0.612823	0.429337
XLOC_010532	C19orf45	chr19:7562444-7573336	0.872537	0.570572	-0.612808	0.626609
XLOC_022568	GARNL3	chr9:130026755-130155821	1.5582	1.01903	-0.612682	0.224272
XLOC_004634	LOC283174	chr11:133766329-13377161	0.985878	0.644939	-0.612246	0.2331
XLOC_015284	STXBP5L	chr3:120627049-121143601	0.0111314	0.00728487	-0.611656	1
XLOC_020847	C7orf29	chr7:149944300-150035241	17.4221	11.4061	-0.611121	0.41836
XLOC_001120	EDARADD	chr1:236557679-236648001	0.889744	0.58256	-0.610985	0.358376
XLOC_002996	MSS51	chr10:75183336-75193319	0.699487	0.458038	-0.610831	0.452642
XLOC_004468	SNORA18	chr11:93466631-93466763	51.1507	33.4979	-0.610683	0.785206
XLOC_020389	DNAH11	chr7:21582832-21985542	0.0064839	0.00424999	-0.609402	1
XLOC_009927	LOC729683	chr17:61777697-61780045	0.840829	0.551987	-0.607177	0.564053
XLOC_011757	GPR4	chr19:46093022-46105466	0.0297058	0.0195116	-0.606417	1
XLOC_008314	RGS11	chr16:318309-325914	12.1797	8.00031	-0.606345	0.0851035
XLOC_020976	HOXA3	chr7:27145808-27166639	0.619816	0.407841	-0.603834	0.556835
XLOC_013326	KLF7	chr2:207938861-208031971	0.0175884	0.0115747	-0.603643	1
XLOC_021047	SNORA9	chr7:45022626-45026259	12.2331	8.05271	-0.603239	0.974392
XLOC_005213	SLC6A12	chr12:299242-323371	0.135056	0.0889262	-0.602876	1
XLOC_012398	LOC440900	chr2:114735245-114764881	0.16485	0.10856	-0.602663	1
XLOC_001507	BEST4	chr1:45249256-45253426	0.137637	0.0906866	-0.601907	1
XLOC_021335	PTN	chr7:136912091-137028541	0.242082	0.159546	-0.601523	1
XLOC_007702	DNM1P35	chr15:76016318-76032418	0.258532	0.170553	-0.600118	1
XLOC_006998	NUDT14	chr14:105639273-10564761	42.1546	27.8139	-0.599885	0.0857334
XLOC_003358	LDHC	chr11:18433852-18472793	0.0963199	0.0636157	-0.598451	1
XLOC_021135	MAGI2	chr7:77646373-79100524	0.410919	0.271434	-0.598254	0.38867
XLOC_013108	FLJ42351	chr2:113399406-113401751	0.989565	0.653742	-0.598074	0.787681
XLOC_020513	CCT6P3	chr7:64498731-64535091	3.42615	2.26557	-0.596713	0.161828
XLOC_011507	CYP4F11	chr19:16023179-16045676	0.119328	0.0789231	-0.596413	1
XLOC_021686	CPG	chr8:97657498-98155722	9.15117	6.05454	-0.595938	0.0912351
XLOC_011591	SCGB1B2P	chr19:35067637-35068596	0.619058	0.409908	-0.594775	0.836102
XLOC_008368	PRSS27	chr16:2762422-2770552	1.60744	1.06439	-0.594733	0.554567
XLOC_013178	RBM43	chr2:152104727-152118381	1.43122	0.947788	-0.594607	0.240188
XLOC_022260	DMRT1	chr9:841689-969090	0.0481782	0.0319056	-0.594572	1
XLOC_000937	OCLM	chr1:185703682-186446651	0.118107	0.0782289	-0.594316	1
XLOC_008342	IGFALS	chr16:1840413-1844909	0.195654	0.12966	-0.593571	1
XLOC_004105	IGSF22	chr11:18720350-18747777	0.0479493	0.0317769	-0.593533	1
XLOC_018639	TFAP2A	chr6:10396915-10419797	3.92245	2.60042	-0.593009	0.203854
XLOC_012303	ZNF2	chr2:95831182-95850064	1.42045	0.941939	-0.592645	0.250722
XLOC_008536	PRSS36	chr16:31150246-31161415	0.384277	0.254844	-0.592532	0.671358
XLOC_017636	ANXA2R	chr5:43039181-43040447	3.89846	2.58997	-0.58997	0.358044
XLOC_022570	ZNF79	chr9:130186652-130207651	4.38375	2.91268	-0.589819	0.202476
XLOC_008648	PDXDC2P	chr16:70010201-70099851	2.91066	1.93404	-0.589728	0.142344
XLOC_022254	ZNF250	chr8:146102335-146126841	1.62724	1.08131	-0.589655	0.136959
XLOC_015038	ZNF619	chr3:40518603-40531728	0.642545	0.426974	-0.58965	0.369185
XLOC_016498	INTU	chr4:128554086-128637931	0.775684	0.515643	-0.589096	0.369215
XLOC_006090	SUGT1P3,TPTE2P5	chr13:41363546-41495910	0.344535	0.229041	-0.589046	1
XLOC_011724	LYPD3	chr19:43964945-43969831	0.973356	0.647098	-0.588984	0.614219
XLOC_022480	MURC	chr9:103340335-103350171	0.215832	0.143529	-0.588562	1
XLOC_006279	REM2	chr14:23352431-23356889	0.315089	0.209555	-0.588435	1
XLOC_005723	HRK	chr12:117298224-11731921	2.30413	1.53248	-0.588347	0.41086
XLOC_012775	CMPK2	chr2:6980683-7006766	0.442721	0.294577	-0.587752	0.575816
XLOC_008461	NPIPL3	chr16:21413454-21436658	3.8164	2.53992	-0.587429	0.169001
XLOC_020556	GTF2IRD2B	chr7:74508346-74565623	0.0751698	0.0500363	-0.587177	1
XLOC_020735	FLJ45340	chr7:128281294-128301051	4.66756	3.10784	-0.586753	0.0569429
XLOC_002580	IFIT2	chr10:91061705-91069033	0.129522	0.0862643	-0.586366	1
XLOC_015874	WDR52	chr3:112931374-113160361	0.256899	0.17114	-0.586026	1
XLOC_000978	KDMSB-AS1	chr1:202780073-202781041	26.9131	17.93	-0.58593	0.203111
XLOC_023953	ATRX	chrX:76760355-77041719	1.5133	1.00843	-0.585579	0.121426
XLOC_007429	SYNM	chr15:99645285-99675800	0.0100954	0.00672861	-0.585318	1
XLOC_012787	SNORA80B	chr2:10580507-10588453	7.75909	5.1738	-0.584662	0.979484
XLOC_015686	PLXNB1	chr3:48445260-48471460	5.33578	3.55952	-0.584016	0.077181
XLOC_020435	ZNRF2P1	chr7:32767561-32769595	0.712003	0.475267	-0.583143	0.651698
XLOC_011811	DBP	chr19:49133816-49140639	17.7906	11.8756	-0.583111	0.137767

XLOC_011951	CDC42EP5	chr19:54976209-54984422	21.597	14.4175	-0.583008	0.291655
XLOC_007714	LOC91450	chr15:78285574-78286567	0.103315	0.0689773	-0.582855	1
XLOC_018560	CCDC170	chr6:151815174-15194232	0.0280632	0.0187392	-0.582618	1
XLOC_019033	AKD1	chr6:109814058-11001241	0.638301	0.426314	-0.582323	0.475849
XLOC_022353	FRMPD1	chr9:37651051-37746901	0.0182433	0.0121876	-0.58196	1
XLOC_001423	FAM229A	chr1:32826870-32827844	3.46236	2.31325	-0.581834	0.668862
XLOC_011219	ZNF543	chr9:57831864-57842144	0.593185	0.396358	-0.581677	0.441032
XLOC_023127	AK8	chr9:135600964-13575419	0.819419	0.547797	-0.580961	0.580655
XLOC_013095	MALL	chr2:110841446-11087414	0.0272253	0.0182026	-0.580804	1
XLOC_014420	TMEM191B	chr22:20377668-20380440	1.99907	1.3377	-0.57957	0.617509
XLOC_001493	ZMYND12	chr1:42896000-42921938	0.226929	0.151893	-0.579186	1
XLOC_003758	NAALAD2	chr11:89867817-89925779	0.095386	0.0638505	-0.579079	1
XLOC_001502	HY1	chr1:43855555-43919918	25.2584	16.9104	-0.578855	0.286255
XLOC_014721	GSTT2	chr22:24299600-24303393	1.19288	0.799352	-0.577548	0.615252
XLOC_023512	SRPX2	chrX:99899162-99926296	0.0593273	0.0397659	-0.577166	1
XLOC_021788	SPATC1	chr8:145086581-14510201	0.110143	0.0738667	-0.57638	1
XLOC_020516	CCT6P1	chr7:65111923-65235797	3.50145	2.34862	-0.576135	0.2318
XLOC_013991	TP53TG5	chr20:43990576-44039250	0.595897	0.399889	-0.575466	0.975414
XLOC_007731	STARD5	chr15:81489218-81616524	1.84654	1.23966	-0.574878	0.483354
XLOC_005846	BRCA2	chr13:32889616-32923809	0.159078	0.106811	-0.574672	1
XLOC_010728	ZNF493	chr19:21579920-21610296	1.13651	0.763465	-0.573981	0.516248
XLOC_003611	TIGD3	chr11:65122281-65125082	2.95903	1.98913	-0.572991	0.354937
XLOC_005239	VAMP1	chr12:6561176-6579843	4.17881	2.80932	-0.572871	0.530257
XLOC_011441	ZNF823	chr19:11832079-11849760	1.81043	1.21716	-0.57282	0.28733
XLOC_012749	SNED1	chr2:241938254-24204174	0.481534	0.323792	-0.572568	0.857872
XLOC_011623	ZNF566	chr19:36936020-36980463	1.7389	1.16984	-0.571865	0.175545
XLOC_009991	CYGB	chr17:74523429-74541458	0.22277	0.149913	-0.571426	1
XLOC_010927	BCAM	chr19:45312315-45324678	36.3799	24.4821	-0.571411	0.0730091
XLOC_006785	KLHL28	chr14:45393526-45431179	0.736047	0.495638	-0.57051	0.275061
XLOC_000136	PADI1	chr1:17531620-17572501	0.0186574	0.0125641	-0.570435	1
XLOC_013049	NEURL3	chr2:97163382-97173846	0.062066	0.0418011	-0.570262	1
XLOC_014225	MCM3AP-AS1	chr21:47649157-47705236	0.133682	0.0900488	-0.570027	1
XLOC_001891	PKLR	chr1:155247217-15527122	0.549686	0.37031	-0.569875	0.769283
XLOC_004822	CACNB3	chr12:49208214-49222726	23.9012	16.1049	-0.569577	0.0584113
XLOC_011017	DKKL1	chr19:49866986-49878373	0.865715	0.583815	-0.568382	0.684325
XLOC_006021	CRYL1	chr13:20977805-21100012	26.1034	17.6116	-0.567715	0.0757506
XLOC_003418	ACCS	chr11:44087728-44105569	1.71393	1.15652	-0.567516	0.410986
XLOC_005649	DEPDC4	chr12:100646041-1006608	0.290842	0.196299	-0.567187	1
XLOC_023713	PLXNA3	chrX:153686622-15370198	6.46112	4.36357	-0.566276	0.119771
XLOC_015922	ALG1L	chr3:125635443-12565588	0.434924	0.293881	-0.565532	0.946274
XLOC_014439	CCDC116	chr22:21987085-21991616	0.0732277	0.0494878	-0.565317	1
XLOC_011666	EID2B	chr19:40021629-40023494	2.49787	1.68912	-0.564422	0.367602
XLOC_001870	C1orf189	chr1:154171561-15417884	0.118194	0.079929	-0.564362	1
XLOC_017991	AACSP1	chr5:178191863-17820327	0.762923	0.516169	-0.563694	0.525846
XLOC_002530	C1orf11	chr10:77542518-78317126	14.7556	9.98355	-0.563635	0.18287
XLOC_011164	LENG8	chr19:54960064-54974894	10.321	6.98466	-0.563325	0.252563
XLOC_010772	ZNF30	chr19:35417806-35436076	0.816428	0.552608	-0.56307	0.435505
XLOC_012917	CCDC88A	chr2:55514977-55647057	1.20472	0.815756	-0.56249	0.158666
XLOC_010597	CNN1	chr19:11649578-11661138	0.154592	0.104706	-0.562127	1
XLOC_011585	SLCTA9	chr19:33321418-33360683	0.160106	0.10848	-0.561602	1
XLOC_001673	LRRC39	chr1:100598705-10064382	0.520583	0.352799	-0.56128	0.898815
XLOC_015691	COL7A1	chr3:48601505-48632593	0.673497	0.456432	-0.561273	0.823658
XLOC_011069	LOC100129083	chr19:51913274-51921057	0.172882	0.117168	-0.561204	1
XLOC_016287	UGDH-AS1	chr4:39529458-39640481	2.54283	1.72378	-0.560859	0.308227
XLOC_011735	ZNF404	chr19:44376514-44384288	2.30135	1.56033	-0.560634	0.3163
XLOC_002539	BEND3P3	chr10:81442730-81448650	0.0187786	0.0127325	-0.560579	1
XLOC_014331	LCA5L	chr21:40777769-40816128	0.227486	0.154284	-0.560193	1
XLOC_009281	LOC100287042	chr17:73267379-73285530	0.26564	0.180178	-0.560047	1
XLOC_022000	PLAG1	chr8:57073467-57123859	1.21297	0.822741	-0.560031	0.197629
XLOC_008297	CPNE7	chr16:89642175-89663654	43.9927	29.8654	-0.558789	0.0608269
XLOC_012559	ANKAR	chr2:190540710-19061137	0.240549	0.16345	-0.557486	1
XLOC_021001	DPY19L1P1	chr7:32535175-32758780	0.662417	0.450434	-0.556425	0.906895
XLOC_012847	FNDC4	chr2:27714749-27718126	14.1374	9.61429	-0.556261	0.131898
XLOC_010720	ZNF93	chr19:20011721-20046382	0.0469568	0.0319418	-0.555887	1
XLOC_022238	TMEM249	chr8:145576885-14557857	1.30372	0.887416	-0.554954	0.715731
XLOC_005684	USP30-AS1	chr12:109489845-1095258	0.111288	0.0757524	-0.554937	1
XLOC_007717	ACSBG1	chr15:78463186-78527049	0.138601	0.0943498	-0.554844	1
XLOC_002196	DUSP10	chr1:221874763-22191551	1.08342	0.73768	-0.554522	0.498673
XLOC_011993	ZNF416	chr19:58082933-58090243	4.05298	2.76119	-0.553695	0.189877
XLOC_017738	ARRDC3	chr5:90664540-90716532	4.79791	3.26958	-0.553299	0.109667
XLOC_004719	CLEC2D	chr12:9822303-9852151	0.589044	0.401464	-0.553106	0.342414
XLOC_011217	ZNF805	chr19:57752052-57774106	1.2559	0.856004	-0.553035	0.162786
XLOC_008417	SOCS1	chr16:11348273-11350039	3.52223	2.40094	-0.552892	0.573076
XLOC_014305	DNAJC28	chr21:34860237-34864023	0.32019	0.218305	-0.552582	1
XLOC_004555	SCN4B	chr11:118004091-1180236	0.0640066	0.0436451	-0.552401	1
XLOC_014458	SLC2A11	chr22:24199058-24227725	2.70475	1.84444	-0.552309	0.316648
XLOC_013797	OPRL1	chr20:62711470-62731996	2.07116	1.41251	-0.552172	0.326632
XLOC_007191	DUOX1	chr15:45422191-45457774	0.0478028	0.0326035	-0.552067	1
XLOC_009986	RNF157	chr17:74132414-74236390	0.670665	0.457663	-0.551306	0.416474

XLOC_024001	LOC286437	chrX:103139054-103401701	0.220964	0.150791	-0.551268	1
XLOC_020411	HOXA11-AS	chr7:27225026-27228912	2.88897	1.97172	-0.5511	0.457397
XLOC_004832	PRPF40B	chr12:50017196-50101197	0.953972	0.651289	-0.55065	0.921047
XLOC_003777	ENDOD1	chr11:94822973-94865815	0.519943	0.354974	-0.550642	0.450904
XLOC_011733	KCNN4	chr19:44270684-44285409	9.2222	6.30286	-0.549105	0.175368
XLOC_017379	PCDHB10	chr5:140571951-140575213	0.327321	0.223761	-0.548747	1
XLOC_005693	C12orf76	chr12:110478982-11050550	1.65103	1.12917	-0.548098	0.383398
XLOC_022284	LURAP1L	chr9:127750111-12823059	4.8537	3.32016	-0.547835	0.308227
XLOC_020382	AHR	chr7:17338275-17385775	0.346294	0.2369	-0.54772	1
XLOC_003547	RPLP0P2	chr11:61382507-61406921	1.00222	0.685943	-0.547044	0.430709
XLOC_010925	BCL3	chr19:45251977-45263301	9.95021	6.81126	-0.546804	0.236474
XLOC_022508	KIAA1958	chr9:115249247-115422700	0.848761	0.581089	-0.5466	0.501458
XLOC_001347	ZNF436	chr1:23685940-23698330	1.74495	1.19467	-0.546567	0.255557
XLOC_010636	LOC100507373	chr19:14247963-14316997	0.496302	0.33995	-0.545896	0.969963
XLOC_000036	TNFRSF14	chr1:2487207-2495267	20.8536	14.2846	-0.545836	0.138798
XLOC_018631	NRN1	chr6:5998232-6007633	38.0494	26.0727	-0.545332	0.0810244
XLOC_017684	LOC100272216	chr5:68926979-68929028	0.0507078	0.0347508	-0.545162	1
XLOC_004749	C12orf60	chr12:14956505-14976791	1.69186	1.1596	-0.544985	0.493243
XLOC_016618	ZNF732	chr4:264463-289944	0.0212495	0.0145675	-0.544675	1
XLOC_003231	NS3BP	chr11:779453-780755	2.61056	1.78998	-0.544416	0.487217
XLOC_021628	XKR9	chr8:71581599-71648177	0.126031	0.0864282	-0.544203	1
XLOC_021506	C8orf58	chr8:22457113-22461662	36.6445	25.1328	-0.544023	0.0906031
XLOC_011451	ZNF564	chr19:12636183-12662356	1.9564	1.34213	-0.543684	0.280816
XLOC_001812	TMOD4	chr1:151129104-15114854	0.152753	0.104807	-0.54347	1
XLOC_004605	V5IG2	chr11:124617369-12462210	0.073422	0.0503788	-0.543394	1
XLOC_005881	TPT1-AS1	chr13:45915479-45965618	6.61587	4.54052	-0.543074	0.272073
XLOC_015942	RPL32P3	chr3:129101676-12911828	2.27886	1.56418	-0.542902	0.362161
XLOC_009523	ZNF624	chr17:16524047-16557167	0.355131	0.243974	-0.541627	0.517621
XLOC_010952	CCDC61	chr19:46498718-46521874	8.95237	6.15058	-0.541548	0.263349
XLOC_011637	ZNF607	chr19:38187263-38210691	1.58258	1.08732	-0.541501	0.248124
XLOC_014860	CYP2D7P1	chr22:42536213-42540575	0.958327	0.658462	-0.541417	0.685558
XLOC_017649	ARL15	chr5:53180613-53606403	1.41895	0.97545	-0.540681	0.372752
XLOC_011968	IL11	chr19:55875749-55881831	9.94687	6.8405	-0.540142	0.131898
XLOC_018243	PHF1	chr6:33378772-33384230	35.0747	24.122	-0.540083	0.0803445
XLOC_022963	HIATL2	chr9:99708326-99775862	1.44715	0.995286	-0.540028	0.744243
XLOC_007613	RORA	chr15:60780482-61521502	1.53203	1.05425	-0.539231	0.156099
XLOC_015086	KIF9-AS1	chr3:47205859-47388306	0.265507	0.18284	-0.538166	1
XLOC_011748	NKPD1	chr19:45653007-45663408	0.0217068	0.0149573	-0.537298	1
XLOC_015393	VWTR1-AS1	chr3:149235021-149421060	0.119203	0.0821905	-0.536378	1
XLOC_012284	SNORD94	chr2:86333304-86369280	7.08176	4.88583	-0.535504	0.979701
XLOC_013887	NAPB	chr20:23355155-23402156	1.78248	1.23006	-0.535151	0.261311
XLOC_003780	JRKL	chr11:96123157-96126727	1.70247	1.17506	-0.534886	0.292417
XLOC_006394	SYNE2	chr14:64319682-64693167	3.00437	2.07382	-0.534775	0.381451
XLOC_002030	GAS5	chr1:173832385-17383712	1535.79	1060.2	-0.534648	0.102585
XLOC_000944	RGS2	chr1:192778168-192781400	6.17797	4.26732	-0.533804	0.272073
XLOC_011453	MAN2B1	chr19:12757321-12777591	29.9308	20.6809	-0.533331	0.0972878
XLOC_014492	EMID1	chr22:29601900-29655586	9.86565	6.81948	-0.532751	0.206941
XLOC_011194	CCDC106	chr19:56158953-56164526	0.76953	0.53205	-0.532416	0.738135
XLOC_017284	ZNF474	chr5:121465214-12148926	7.26512	5.02853	-0.530851	0.18287
XLOC_022110	SNORA72	chr8:99053937-99057818	24.9685	17.2837	-0.530694	0.972601
XLOC_004689	ENO2	chr12:7023613-7032859	242.163	167.666	-0.530391	0.117923
XLOC_023420	RIBC1	chrX:53449804-53458063	0.56871	0.393774	-0.530325	0.700083
XLOC_008302	ZNF276	chr16:89773540-89883065	5.67479	3.92996	-0.530054	0.638092
XLOC_011527	JAK3	chr19:17935592-17958841	1.39559	0.966521	-0.530007	0.34589
XLOC_005583	PTPRB	chr12:70910631-71031220	0.0148053	0.0102568	-0.529529	1
XLOC_000804	DUSP23	chr1:159750758-159752333	27.602	19.1265	-0.529201	0.273254
XLOC_016536	FAM160A1	chr4:152330397-15258478	1.73715	1.20387	-0.529036	0.293234
XLOC_023152	LOC100506599	chr9:138354564-13836409	0.692406	0.479932	-0.528788	0.524554
XLOC_004271	ZBTB3	chr11:62518434-62521656	1.2774	0.885525	-0.528603	0.46195
XLOC_003361	TMEM86A	chr11:18720350-1874777	1.25855	0.872622	-0.528335	0.383684
XLOC_008889	LRRC48	chr17:17876126-17920189	0.234566	0.162676	-0.527989	1
XLOC_023029	DFNB31	chr9:117164359-11726773	15.7052	10.8946	-0.527623	0.131385
XLOC_013627	SPAG4	chr20:34203808-34208965	27.55	19.1208	-0.526913	0.14313
XLOC_003407	RAG1	chr11:36589562-36601310	0.0785777	0.0545397	-0.526814	1
XLOC_000174	C1orf213	chr1:23685940-23698330	1.21992	0.846739	-0.526797	0.942472
XLOC_000908	AXDND1	chr1:179334854-17954508	0.760845	0.528216	-0.526474	0.442617
XLOC_021765	PTP4A3	chr8:142432006-142441620	13.6837	9.50038	-0.526397	0.276007
XLOC_000382	LINC00853	chr1:47644921-47646011	1.90399	1.32216	-0.526126	0.695626
XLOC_011740	ZFP112	chr19:44830705-44860856	0.787096	0.546658	-0.525902	0.410394
XLOC_018118	LINC00240	chr6:26924771-26991753	0.782815	0.544144	-0.524683	0.861353
XLOC_014730	POM121L10P	chr22:25028881-25055114	0.037317	0.0259424	-0.524524	1
XLOC_002382	OTUD1	chr10:23728197-23731310	4.13443	2.87459	-0.524333	0.236307
XLOC_013057	LOC100506123	chr2:98081675-98091049	1.65274	1.14922	-0.52421	0.346844
XLOC_018127	LOC100131289	chr6:27729522-27730966	1.39021	0.966761	-0.524074	0.714805
XLOC_013542	ZNF133	chr20:18269120-18297640	5.91987	4.11905	-0.523255	0.205713
XLOC_010052	DCXR	chr17:79993756-79995573	223.631	155.619	-0.523099	0.0917667
XLOC_009572	ALDOC	chr17:26900132-26903951	197.983	137.797	-0.522837	0.109906
XLOC_001002	LOC284581	chr1:205831206-20586521	0.0307055	0.0213798	-0.522247	1
XLOC_010475	ZNF57	chr19:2900895-2918474	3.32197	2.31327	-0.522103	0.283519

XLOC_008588	PLLP	chr16:57290008-57318584	1.39394	0.971091	-0.521493	0.624337
XLOC_021495	FGF17	chr8:21900427-21906319	3.667	2.55492	-0.521321	0.513989
XLOC_006074	SMAD9	chr13:37418967-37494409	3.76395	2.62267	-0.52121	0.153604
XLOC_023182	ABC2A2	chr9:139901685-139931234	23.8918	16.6483	-0.521138	0.102638
XLOC_011891	KLK14	chr19:51581153-51587502	0.185958	0.129598	-0.520937	1
XLOC_016427	FAM13A-AS1	chr4:89630939-89978346	0.190728	0.132926	-0.520897	1
XLOC_017310	SLC22A4	chr5:131630144-131731306	0.446721	0.311437	-0.520434	0.931471
XLOC_005808	FGF9	chr13:22245214-22278640	0.328252	0.228887	-0.520166	1
XLOC_010088	ROCK1P1	chr18:109064-122222	0.458109	0.319586	-0.519487	0.617065
XLOC_004216	YPEL4	chr11:57412559-57417417	0.392295	0.27368	-0.519448	0.75569
XLOC_001535	TRABD2B	chr1:48226199-48462562	0.0562803	0.0392721	-0.519125	1
XLOC_023632	FHL1	chrX:135228860-135293511	0.127947	0.0892823	-0.519103	1
XLOC_009419	VMO1	chr17:4688579-4689729	1.02912	0.718143	-0.519066	0.79799
XLOC_020960	KLHL7-AS1	chr7:23140846-23145322	0.0711225	0.0496352	-0.518941	1
XLOC_012074	FAM228B	chr2:24346349-24392507	1.07951	0.753493	-0.518708	0.571535
XLOC_011262	SHC2	chr19:416582-460996	17.5824	12.2724	-0.518707	0.160581
XLOC_011153	PRKCG	chr19:54385466-54410901	4.03989	2.82004	-0.518601	0.294176
XLOC_011288	BTBD2	chr19:1985446-2015702	73.469	51.2877	-0.518522	0.090094
XLOC_023286	PPEF1	chrX:18709044-18846034	0.234475	0.163709	-0.5183	1
XLOC_001186	LOC100130417	chr1:852952-854817	0.406352	0.283716	-0.518284	0.919413
XLOC_014734	LRP5L	chr22:25747384-25777544	6.67009	4.65924	-0.517612	0.280352
XLOC_008507	YPEL3	chr16:30103634-30107537	24.8933	17.3915	-0.517379	0.227355
XLOC_003144	C10orf118	chr10:115881973-11593436	0.301771	0.210868	-0.517114	1
XLOC_009451	DLG4	chr17:7093209-7128586	20.5365	14.3523	-0.516907	0.796801
XLOC_011802	PLA2G4C	chr19:48551099-48614109	0.102181	0.0714143	-0.516837	1
XLOC_021750	PVT1	chr8:128902873-129113495	35.4433	24.7866	-0.515954	0.105061
XLOC_006658	LINC00638	chr14:105287537-10529005	0.303699	0.212466	-0.515412	1
XLOC_006461	ESRRB	chr14:76837689-76968180	0.211963	0.148306	-0.515241	1
XLOC_021040	NPC1L1	chr7:44552134-44580914	0.0178307	0.0124789	-0.514878	1
XLOC_022582	DNM1	chr9:130928343-131017527	10.8204	7.57318	-0.514779	0.90314
XLOC_017018	LOC389247	chr4:184415889-184425668	0.222827	0.155984	-0.514532	1
XLOC_007909	FLJ39639	chr16:3313767-3317566	0.194311	0.136041	-0.514331	1
XLOC_018026	DKFZP686115217	chr6:2988200-2991405	1.03052	0.721601	-0.514094	0.598176
XLOC_012040	ID2	chr2:8822112-8824583	3.4161	2.39374	-0.513082	0.439482
XLOC_000631	LOC100130000	chr1:143687129-143714186	0.0865299	0.060647	-0.512762	1
XLOC_018901	ENPP5	chr6:46127761-46138717	0.363826	0.255103	-0.512171	0.642142
XLOC_023117	LOC100272217	chr9:133452736-133454887	0.754885	0.529315	-0.512131	0.610107
XLOC_009613	CCT6B	chr17:33254877-33288528	1.36516	0.957231	-0.512127	0.505355
XLOC_015882	ZBTB20	chr3:114056946-114866127	0.0756603	0.0530894	-0.511111	1
XLOC_015634	ACVR2B-AS1	chr3:38492517-38534633	0.558056	0.391658	-0.510817	0.943545
XLOC_004714	KLRG1	chr12:9142220-9163340	0.155016	0.108806	-0.510658	1
XLOC_007671	PARP6	chr15:72533521-72563628	7.48085	5.25324	-0.509993	0.169001
XLOC_013984	STK4-AS1	chr20:43592439-43595099	0.0554456	0.0389484	-0.509509	1
XLOC_022823	MSMP	chr9:35749276-35754274	2.56128	1.79922	-0.509497	0.827004
XLOC_001063	HLX	chr1:221052742-221058400	0.38179	0.26821	-0.509417	0.832722
XLOC_003354	LOC494141	chr11:18230684-18235111	0.00947727	0.00665918	-0.509126	1
XLOC_007168	CAPN3	chr15:42651697-42704515	2.55176	1.79299	-0.509125	0.501695
XLOC_017627	LOC100506548	chr5:40825364-40829244	25.8245	18.1463	-0.509066	0.108427
XLOC_020429	AQP1	chr7:30951414-30965131	0.164455	0.115579	-0.50881	1
XLOC_009658	PLXDC1	chr17:37213271-37307902	0.108889	0.0765318	-0.508728	1
XLOC_003919	LINC00167	chr11:129769600-12987538	0.0665827	0.0467985	-0.508686	1
XLOC_012203	OTX1	chr2:63277191-63284966	2.02287	1.42235	-0.50813	0.451265
XLOC_022328	DNAJB5	chr9:34989637-34998430	3.99624	2.81025	-0.507947	0.270682
XLOC_011954	GP6	chr19:55525074-55549632	0.106606	0.0749707	-0.507891	1
XLOC_021114	STAG3L2	chr7:74298262-74306731	1.58833	1.11712	-0.507719	0.544271
XLOC_003774	KDM4D	chr11:94706844-94732676	0.398171	0.280071	-0.507593	0.664752
XLOC_011998	ZNF814	chr19:58380746-58400442	1.26476	0.889994	-0.506995	0.263143
XLOC_020588	CROT	chr7:86974950-87029112	0.803739	0.565786	-0.506472	0.631673
XLOC_008965	ADAP2	chr17:29248753-29286211	0.0479177	0.0337398	-0.506107	1
XLOC_018677	HIST1H2AB	chr6:26033319-26033796	0.36692	0.258402	-0.505848	0.959465
XLOC_009025	LRRRC37A11P	chr17:37186158-37209458	0.0220057	0.0154982	-0.50577	1
XLOC_017512	RGS14	chr5:176784843-176799595	6.05033	4.26377	-0.504883	0.293234
XLOC_004736	CDKN1B	chr12:12870301-12875305	10.3398	7.28785	-0.504647	0.185354
XLOC_013227	LOC440925	chr2:171568948-171571077	0.219566	0.154772	-0.504503	1
XLOC_005970	CLYBL	chr13:100258918-10054938	0.481725	0.339653	-0.504146	0.536091
XLOC_017920	HAVCR2	chr5:156512842-156536248	0.0322252	0.0227407	-0.502911	1
XLOC_013519	C20orf196	chr20:5731042-5844559	2.22381	1.56949	-0.502737	0.547489
XLOC_022624	NTNG2	chr9:135037333-135118220	2.03687	1.43802	-0.502272	0.504447
XLOC_005511	ITGA7	chr12:56075329-56106089	3.81152	2.6936	-0.500831	0.366894
XLOC_006136	DHRS12	chr13:52342128-52378298	2.41215	1.706	-0.499698	0.57289
XLOC_012850	RBKS	chr2:28004265-28561767	2.86455	2.02607	-0.499625	0.945961
XLOC_011338	TINCR	chr19:5558177-5568005	0.242719	0.171683	-0.49954	1
XLOC_004697	C1RL-AS1	chr12:7247145-7274447	0.310455	0.219604	-0.499481	1
XLOC_020797	MGAM	chr7:141695678-141806547	0.03083	0.0218083	-0.499457	1
XLOC_008198	HAS3	chr16:69139466-69166493	1.55852	1.10255	-0.499338	0.945783
XLOC_011406	ZNF846	chr19:9868150-9879410	0.320862	0.227097	-0.498642	1
XLOC_000611	MAB21L3	chr1:116654375-116677867	0.115377	0.0816628	-0.498607	1
XLOC_000787	KIRREL	chr1:157963062-158065844	1.01468	0.71847	-0.498021	0.525666
XLOC_006718	HOMEZ	chr14:23742843-23755309	2.20516	1.56154	-0.497911	0.319344

XLOC_015058	ZKSCAN7	chr3:44596712-44624973	0.680775	0.482178	-0.497611	0.598645
XLOC_002616	ZNF518A	chr10:97889471-97923517	1.24477	0.881729	-0.497469	0.243246
XLOC_018186	PSORS1C1	chr6:31082607-31107869	0.837277	0.593274	-0.497007	0.853208
XLOC_023439	ZC3H12B	chrX:64708614-64727767	0.26434	0.187318	-0.49691	1
XLOC_014712	ZDHHC8P1	chr22:23732791-23744799	1.02392	0.72563	-0.496795	0.605975
XLOC_012050	ATPV1C2	chr2:10861774-10952960	0.377202	0.267376	-0.496467	0.979484
XLOC_000256	FAM167B	chr1:32712817-32714461	0.957591	0.678857	-0.496302	0.790283
XLOC_021147	TP53TG1	chr7:86954663-86974808	7.46656	5.29486	-0.49585	0.469503
XLOC_016751	AASDH	chr4:57204456-57253638	2.31679	1.64316	-0.495652	0.285855
XLOC_008296	RPL13	chr16:89627064-89633237	1048.56	743.802	-0.495418	0.224982
XLOC_008506	TBX6	chr16:30097114-30103205	1.08858	0.772588	-0.494682	0.68726
XLOC_016101	CRYGS	chr3:186256231-186262161	2.1602	1.53317	-0.494644	0.619231
XLOC_015783	HESX1	chr3:57231943-57234280	0.488244	0.346701	-0.49391	0.79185
XLOC_020755	CPA4	chr7:129932973-129964021	0.03803	0.0270166	-0.493293	1
XLOC_022760	MIR31HG	chr9:21454266-21559697	0.304387	0.216393	-0.49225	1
XLOC_002640	SCD	chr10:102106771-10212451	112.622	80.0755	-0.492056	0.179646
XLOC_005284	CLEC2B	chr12:10004967-10022458	0.289583	0.205911	-0.491956	1
XLOC_000659	LOC388692	chr1:149279475-149291741	0.402131	0.285967	-0.49182	0.427321
XLOC_006655	ADSSL1	chr14:105190533-10521361	2.25208	1.6017	-0.491659	0.525354
XLOC_004116	FANCF	chr11:22644078-22647387	4.21474	2.99761	-0.491633	0.254449
XLOC_009544	FAM83G	chr17:18853988-18950336	9.15879	6.51419	-0.491571	0.229068
XLOC_010004	DNAH17	chr17:76374734-76573476	0.212759	0.151334	-0.49148	1
XLOC_023904	AMER1	chrX:63404996-63425624	0.585641	0.416651	-0.491179	0.41086
XLOC_003048	LOC100188947	chr10:93066718-93371217	0.185862	0.132246	-0.49101	1
XLOC_009563	LYRM9	chr17:26205339-26220409	3.00314	2.13689	-0.490959	0.494356
XLOC_015643	ENTPD3-AS1	chr3:40428672-40494799	0.157421	0.112052	-0.490464	1
XLOC_002334	LOC399715	chr10:6319649-6377937	0.303757	0.216246	-0.490242	1
XLOC_016602	FAM149A	chr4:187065994-187093817	1.30801	0.931308	-0.490039	0.493884
XLOC_008032	SPN	chr16:29674270-29681823	0.0128933	0.00918497	-0.489278	1
XLOC_007618	CA12	chr15:63615729-63674075	8.83659	6.29558	-0.489152	0.205713
XLOC_008232	ZFP1	chr16:75182420-75206132	2.3488	1.67355	-0.489017	0.295777
XLOC_014434	POM121L8P	chr22:21636713-21652015	0.369634	0.263608	-0.487703	0.565929
XLOC_020562	SPDYE5	chr7:75124298-75133628	0.211962	0.15117	-0.487639	1
XLOC_011923	ZNF816,ZNF816-ZNF321P	chr19:53430387-53466164	3.4411	2.45448	-0.487455	0.29367
XLOC_013067	LYG1	chr2:99900700-99917639	2.63438	1.87909	-0.487428	0.562531
XLOC_007371	GOLGA6L4	chr15:84904524-84914120	0.143129	0.102098	-0.487369	1
XLOC_014887	LOC100271722	chr22:46435786-46440748	2.5427	1.81422	-0.487009	0.488842
XLOC_022611	ASS1	chr9:133320093-133376661	122.784	87.6254	-0.486704	0.123893
XLOC_021524	DPYSL2	chr8:26371708-26515693	8.96205	6.39611	-0.486635	0.169001
XLOC_007990	SMG1P1	chr16:22430866-22503541	0.0482065	0.0344142	-0.486226	1
XLOC_006777	FOXA1	chr14:38058756-38064325	1.52178	1.08674	-0.485759	0.460102
XLOC_012286	KDM3A	chr2:86668270-86719839	19.8731	14.192	-0.48574	0.167979
XLOC_021802	KIFC2	chr8:145691737-145701711	16.3819	11.6991	-0.485711	0.33121
XLOC_000713	LCE1E	chr1:152758752-152760901	0.196681	0.140495	-0.485343	1
XLOC_009435	NLRP1	chr17:5404718-5487832	0.361346	0.258132	-0.48527	0.610406
XLOC_010488	TJP3	chr19:3708334-3761673	0.644984	0.461222	-0.483801	0.921047
XLOC_016708	TLR1	chr4:38797875-38806412	0.0540439	0.0386486	-0.483716	1
XLOC_012839	UCN	chr2:27505296-27531130	3.88847	2.78082	-0.483693	0.761353
XLOC_004765	SLCO1B7	chr12:21168629-21243040	0.258793	0.185118	-0.483357	1
XLOC_017544	PP7080	chr5:470624-473080	14.2771	10.213	-0.483299	0.227422
XLOC_016171	CRIPAK	chr4:1385339-1389782	1.21789	0.871248	-0.483227	0.433739
XLOC_018645	ERVFRD-1	chr6:11094265-11138969	0.0312225	0.0223401	-0.482951	1
XLOC_014512	INPP5J	chr22:31518960-31530683	3.34994	2.39732	-0.482715	0.411593
XLOC_020729	SND1-IT1	chr7:127292201-127732651	0.0548348	0.0392437	-0.482633	1
XLOC_021795	MROH1	chr8:145202918-145316841	23.1819	16.5911	-0.48259	0.19102
XLOC_017319	LEAP2	chr5:132209357-132210582	0.50361	0.360455	-0.482488	0.86583
XLOC_003942	MIR210HG	chr11:565656-568457	14.5278	10.4018	-0.481991	0.207647
XLOC_018213	C2	chr6:31865561-31913449	0.182947	0.130995	-0.481912	1
XLOC_021668	NECAB1	chr8:91803920-91997485	0.0431677	0.0309216	-0.48134	1
XLOC_014859	CYP2D6	chr22:42522500-42526883	1.70518	1.22186	-0.480849	0.6442
XLOC_007454	LOC283683	chr15:23094330-23115254	0.0737462	0.052864	-0.480284	1
XLOC_018882	CUL7	chr6:43005354-43021683	6.68171	4.79147	-0.47975	0.182485
XLOC_001985	C1orf110	chr1:162824086-162838601	0.311101	0.223103	-0.479672	1
XLOC_003745	PRSS23	chr11:86511490-86522273	3.83373	2.74983	-0.479405	0.255861
XLOC_007773	PLIN1	chr15:90207599-90222648	0.133658	0.0958918	-0.479062	1
XLOC_011478	PALM3	chr19:14164178-14169971	14.3192	10.2751	-0.478807	0.195403
XLOC_011255	WASH5P	chr19:60950-70966	2.79024	2.00231	-0.478728	0.576801
XLOC_019064	C6orf170	chr6:121400626-121655644	0.286713	0.205761	-0.478641	1
XLOC_009266	GPRC5C	chr17:72427666-72443568	0.471938	0.338758	-0.478341	0.78631
XLOC_001197	ACAP3	chr1:1227763-1243269	6.60465	4.74122	-0.478222	0.265659
XLOC_020366	PMS2CL	chr7:6774935-6791232	2.71804	1.95118	-0.478218	0.44093
XLOC_011842	RRAS	chr19:50138551-50143400	41.681	29.9242	-0.478078	0.207314
XLOC_007492	GOLGA8B	chr15:34817483-34875771	4.89584	3.51609	-0.477584	0.211321
XLOC_011447	ZNF442	chr19:12460184-12476475	0.414365	0.29759	-0.477577	0.664504
XLOC_001126	CHRM3	chr1:239792372-240072711	0.0849446	0.0610064	-0.477562	1
XLOC_004371	MTL5	chr11:68474907-68518988	1.99457	1.4326	-0.477441	0.434696
XLOC_011450	ZNF709	chr19:12571997-12595632	0.91074	0.654176	-0.47736	0.41836
XLOC_018945	EYS	chr6:64429875-66417118	0.0100514	0.00722077	-0.477171	1
XLOC_007991	LOC100132247	chr16:22524843-22547841	2.25692	1.62181	-0.476744	0.402127

XLOC_002641	LINC00263	chr10:102133332-10214811	15.2806	10.981	-0.476694	0.287528
XLOC_001784	NBPF14	chr1:148003641-14802584	3.02554	2.17469	-0.476386	0.275337
XLOC_021388	ZNF767	chr7:149244244-14932188	2.56211	1.84238	-0.475765	0.42494
XLOC_022672	C9orf172	chr9:139738866-13974179	0.643745	0.462969	-0.475575	0.831797
XLOC_022326	IL11RA	chr9:34652181-34662689	1.08572	0.780951	-0.475346	0.646497
XLOC_008968	NF1	chr17:29421944-29704695	1.06685	0.767518	-0.475088	0.396027
XLOC_020559	STAG3L1	chr7:74988428-74996914	0.0941582	0.0677402	-0.475075	1
XLOC_002499	COL13A1	chr10:71561643-71718904	2.95053	1.22293	-0.474915	0.377846
XLOC_004692	PTPN6	chr12:7055739-7070479	0.035545	0.0255783	-0.474725	1
XLOC_017780	LOX	chr5:121398889-12141405	1.12739	0.811457	-0.474407	0.386954
XLOC_017624	DAB2	chr5:39371775-39425335	0.0466354	0.033612	-0.472493	1
XLOC_006231	DCUN1D2	chr13:114110133-1141450	4.2451	3.06012	-0.472208	0.294113
XLOC_004057	TRIM66	chr11:8633583-8680383	0.487917	0.351817	-0.471809	0.461481
XLOC_024183	RENBP	chrX:153200721-15321023	0.257056	0.185431	-0.4712	1
XLOC_011918	ZNF611	chr19:53206065-53238307	0.493427	0.356021	-0.470875	0.548577
XLOC_024207	CLIC2	chrX:154505499-15456398	0.210047	0.151567	-0.470757	1
XLOC_011257	FLJ45445	chr19:197015-202209	0.0514097	0.037109	-0.470271	1
XLOC_012405	TMEM37	chr2:120189445-12019609	0.166453	0.120201	-0.46966	1
XLOC_001810	SEMA6C	chr1:151104162-15111914	2.72851	1.9704	-0.469626	0.410733
XLOC_023088	ST6GALNAC6	chr9:130647600-13066187	113.78	82.1854	-0.469294	0.150679
XLOC_022100	TP53INP1	chr8:95938199-95961615	2.14384	1.54855	-0.469284	0.265949
XLOC_001236	RASA4	chr7:102220092-10225720	4.97135	3.591	-0.469252	0.216565
XLOC_022186	TMEM71	chr8:133722191-13377291	0.713746	0.515583	-0.469207	0.660278
XLOC_011630	ZNF585A	chr19:37641000-37663615	0.984053	0.710859	-0.469173	0.46196
XLOC_011690	B9D2	chr19:41860321-41889987	7.18144	5.18844	-0.468973	0.642487
XLOC_023201	PNPLA7	chr9:140354404-14044498	1.92159	1.38864	-0.468634	0.41212
XLOC_006311	G2E3	chr14:31028328-31089046	1.09492	0.791259	-0.468603	0.361524
XLOC_011634	ZNF571	chr19:38039850-38105079	0.858001	0.620249	-0.468132	0.637163
XLOC_000219	SYTL1	chr1:27668482-27680423	14.9939	10.8404	-0.467953	0.272435
XLOC_012362	GCC2	chr2:109065576-10912585	0.731401	0.529118	-0.467074	0.398607
XLOC_001301	CROCCP3	chr1:16793930-16819196	0.32391	0.234504	-0.465981	1
XLOC_014430	THAP7-AS1	chr22:21354060-21368576	3.20453	2.32011	-0.465921	0.938305
XLOC_014564	APOBEC3D	chr22:39417117-39429256	0.124292	0.0899953	-0.465813	1
XLOC_011223	ZNF17	chr19:57922528-57933307	1.20945	0.876589	-0.464375	0.507313
XLOC_017579	CMBL	chr5:10277706-10308168	11.9224	8.64149	-0.464318	0.177119
XLOC_010635	LOC113230	chr19:14183820-14185874	5.12736	3.71654	-0.464255	0.603292
XLOC_022329	C9orf131	chr9:35041101-35045988	0.0193257	0.0140082	-0.464252	1
XLOC_017461	CCNG1	chr5:162864576-16287202	62.0986	45.0128	-0.464227	0.145048
XLOC_017688	NAIP	chr5:70264309-70320941	0.590612	0.428123	-0.464186	0.496089
XLOC_007984	OTOA	chr16:21689834-21772050	0.0671893	0.0487053	-0.464152	1
XLOC_023749	PNPLA4	chrX:7866803-7895780	9.4185	6.82911	-0.4638	0.19939
XLOC_000065	ENO1-AS1	chr1:8921058-8939943	0.455959	0.330621	-0.463723	0.979701
XLOC_014428	AIFM3	chr22:21319417-21335649	0.69464	0.503709	-0.463674	0.670347
XLOC_008632	CTRL	chr16:67927174-67965778	1.35969	0.985991	-0.463634	0.954559
XLOC_015899	GOLGB1	chr3:121382045-12146861	2.67322	1.93868	-0.463501	0.244434
XLOC_023836	ZNF182	chrX:47834249-47863394	1.24883	0.9057	-0.46347	0.413738
XLOC_022816	CD72	chr9:35605280-35618424	0.683704	0.495853	-0.463459	0.982497
XLOC_016351	C4orf40	chr4:71019903-71032326	0.00340459	0.00246939	-0.463328	1
XLOC_006889	ALDH6A1	chr14:74486058-74551196	2.8287	2.05251	-0.462747	0.495952
XLOC_011573	ZNF724P	chr19:23406606-23433172	0.258859	0.187866	-0.462466	1
XLOC_022357	FAM201A	chr9:38621084-38623277	4.12515	2.99543	-0.461683	0.496089
XLOC_007269	FEM1B	chr15:68570140-68583640	1.78039	1.29292	-0.461562	0.539251
XLOC_013253	TTC30B	chr2:178414880-17841752	0.148508	0.10787	-0.461248	1
XLOC_014783	SLC55A4	chr22:32614462-32651318	0.0557089	0.0404704	-0.461043	1
XLOC_017069	SRD5A1	chr5:6633499-6669675	3.12706	2.27246	-0.460552	0.447323
XLOC_021125	TMEM120A	chr7:75544419-75623992	39.3308	28.5833	-0.460488	0.682587
XLOC_016149	PIGZ	chr3:196673213-19669570	0.854489	0.62103	-0.460399	0.651194
XLOC_003841	IL10RA	chr11:117857105-1178721	0.0973277	0.0707431	-0.460262	1
XLOC_000601	LRRIG2	chr1:113615830-11366734	2.17455	1.58107	-0.459815	0.362623
XLOC_004572	CCDC153	chr11:119060962-1190665	0.264214	0.192114	-0.459747	1
XLOC_010408	FBXO15	chr18:71740587-71815100	0.491355	0.357334	-0.459492	0.745821
XLOC_022126	RRM2B	chr8:103216728-10325134	10.0174	7.2887	-0.45878	0.170977
XLOC_005099	TCTN1	chr12:111051831-1111276	6.24653	4.54518	-0.458719	0.322381
XLOC_021087	LINC00174	chr7:65841030-65865395	0.972705	0.707957	-0.458342	0.590605
XLOC_018654	ATXN1	chr6:16299342-16761721	0.397025	0.289019	-0.458065	0.500097
XLOC_011193	ZNF581	chr19:56154985-56156989	151.185	110.057	-0.458058	0.173927
XLOC_003821	BCO2	chr11:112046207-1120896	0.065271	0.0475151	-0.458057	1
XLOC_006836	L3HYPDH	chr14:59939405-59951073	2.80256	2.04118	-0.457341	0.580078
XLOC_002015	SCYL3	chr1:169764549-16986310	0.86224	0.628091	-0.457116	0.872525
XLOC_017837	GFRA3	chr5:137588068-13761025	0.101021	0.0735944	-0.456993	1
XLOC_002141	NUAK2	chr1:205271190-20529088	0.254263	0.185261	-0.456766	1
XLOC_002885	ZNF248	chr10:38065453-38147012	1.72262	1.25513	-0.456758	0.368292
XLOC_008521	ZNF764	chr16:30565084-30569642	3.70764	2.70227	-0.45633	0.419017
XLOC_015135	PPM1M	chr3:52279808-52284615	9.47641	6.9091	-0.455842	0.272775
XLOC_000977	PPP1R12B	chr1:202317829-20255769	0.556399	0.40583	-0.455243	0.656018
XLOC_018125	ZNF391	chr6:27356523-27369227	0.623137	0.454594	-0.45497	0.730513
XLOC_000443	SGIP1	chr1:66999824-67210768	0.5404	0.394509	-0.453969	0.574636
XLOC_005523	STAT2	chr12:56735381-56754037	5.58548	4.07925	-0.453377	0.229068
XLOC_005515	MMP19	chr12:56211805-56236767	2.16526	1.58218	-0.452625	0.907688

XLOC_013372	SLC23A3	chr2:220026180-220034817	0.699518	0.511309	-0.452166	0.69673
XLOC_011838	SLC17A7	chr19:49932654-49944808	0.365795	0.267396	-0.452058	0.778384
XLOC_001291	UQCRHL	chr1:16133656-16134194	2.52485	1.84579	-0.451961	0.734493
XLOC_021222	UFSP1	chr7:100486343-100487333	3.63161	2.65532	-0.45172	0.690388
XLOC_014600	C22orf32	chr22:42475694-42480288	29.2367	21.3792	-0.451575	0.19939
XLOC_009293	GALR2	chr17:74070891-74073573	0.360373	0.263593	-0.45118	0.931949
XLOC_000356	PLK3	chrX:45266035-45272957	14.9377	10.9261	-0.451178	0.261311
XLOC_023669	MTM1	chrX:149737046-149841611	0.769828	0.563132	-0.451062	0.576801
XLOC_001714	FAM212B	chr1:112264685-112310195	1.17172	0.857338	-0.450691	0.811389
XLOC_005091	FAM222A	chr12:110152186-11021125	1.14229	0.835821	-0.450658	0.778858
XLOC_008512	LOC613037	chr16:30234349-30256932	4.55582	3.33396	-0.450474	0.348936
XLOC_020837	ZNF398	chr7:148823507-148880111	2.81348	2.05953	-0.450044	0.290899
XLOC_003560	ROM1	chr11:62369690-62382592	1.70203	1.24612	-0.449814	0.950929
XLOC_011446	ZNF563	chr19:12428303-12444534	0.964497	0.706198	-0.449703	0.553879
XLOC_008280	ZNF469	chr16:88493878-88507165	0.00794542	0.00581882	-0.449398	1
XLOC_010743	PLEKHF1	chr19:30156326-30166383	7.15815	5.24235	-0.449373	0.441032
XLOC_003127	WDR96	chr10:105889645-10599212	0.0516931	0.0378601	-0.449291	1
XLOC_015903	WDR5B	chr3:122130699-122134882	1.03624	0.759149	-0.448897	0.496195
XLOC_014548	TRIOBP	chr22:38092994-38172563	11.857	8.68697	-0.448817	0.387388
XLOC_020334	GPR146	chr7:1036622-1177893	5.59931	4.10236	-0.448796	0.944724
XLOC_010595	SWSAP1	chr19:11485382-11487627	3.00899	2.20503	-0.44848	0.541415
XLOC_011576	ZNF681	chr19:23921996-23941693	0.425641	0.311954	-0.448303	0.548564
XLOC_010777	FXYP1	chr19:35629731-35633954	1.61539	1.18408	-0.44811	0.822284
XLOC_018239	RPS18	chr6:33239851-33244281	14910.4	10930.9	-0.447903	0.407645
XLOC_018400	ZNF292	chr6:87865268-87973406	1.76955	1.29739	-0.447773	0.290965
XLOC_010990	ZNF114	chr19:48774653-48790863	4.02988	2.95512	-0.447522	0.388744
XLOC_007752	LOC388152,LOC642423	chr15:84860599-84898920	15.5525	11.4076	-0.447161	0.202871
XLOC_014532	RASD2	chr22:35937351-35950045	1.13673	0.833926	-0.446896	0.624874
XLOC_022604	LOC100506190	chr9:132250938-132275961	12.1172	8.89002	-0.446797	0.274388
XLOC_008749	PITPNA-AS1	chr17:1420212-1466110	16.3407	11.9924	-0.446348	0.895479
XLOC_005173	TCTN2	chr12:124155659-12419291	2.10513	1.54526	-0.446055	0.471178
XLOC_005372	DDX11-AS1	chr12:31173696-31257725	0.993363	0.72923	-0.445947	0.963209
XLOC_003224	LRRC56	chr11:537521-560779	2.22248	1.63164	-0.445848	0.61004
XLOC_019104	IL20RA	chr6:137321107-137366291	0.781305	0.573599	-0.445842	0.596611
XLOC_007967	ITPR1L2	chr16:19125253-19132952	4.08587	2.99984	-0.445757	0.241449
XLOC_003562	SNORA57	chr11:62430288-62441162	23.3515	17.151	-0.445225	0.981044
XLOC_003288	TRIM22	chr11:5710816-5732093	0.134546	0.0988526	-0.444746	1
XLOC_014500	MTMR3	chr22:30279157-30426857	4.67075	3.43171	-0.444726	0.215563
XLOC_014818	BAIAP2L2	chr22:38480895-38506676	0.136731	0.100483	-0.444391	1
XLOC_017742	KIAA0825	chr5:93486555-93954309	0.0257183	0.0189074	-0.443846	0.0189074
XLOC_003042	PANK1	chr10:91339253-91405329	0.278438	0.204726	-0.443366	1
XLOC_003423	PRDM11	chr11:45115563-45256675	0.25975	0.191073	-0.443003	1
XLOC_017547	TPPP	chr5:659976-693510	1.52719	1.12358	-0.442775	0.436187
XLOC_016489	KIAA1109	chr4:123091757-123283914	0.959368	0.706002	-0.442412	0.282566
XLOC_021306	OPN1SW	chr7:128379345-128415844	0.257526	0.189514	-0.442412	1
XLOC_022375	PTGER4P2-CDK2AP2P2	chr9:66494268-66503030	0.0565187	0.0415965	-0.442266	1
XLOC_010738	ZNF254	chr19:24269975-24312654	0.933413	0.687085	-0.442027	0.505561
XLOC_008022	ATP2A1	chr16:28889808-28936532	1.24064	0.913313	-0.441903	0.931473
XLOC_003836	SIDT2	chr11:117049938-11707551	3.99497	2.94096	-0.441894	0.808776
XLOC_021413	CNPY1	chr7:155293952-155326531	0.00734681	0.00540852	-0.441883	1
XLOC_022956	HSD17B3	chr9:98997588-99064434	0.27174	0.200068	-0.44174	1
XLOC_016950	HHIP-AS1	chr4:145564067-145659881	0.104657	0.0770677	-0.441477	1
XLOC_016902	CAMK2D	chr4:114372187-114683081	4.50354	3.31727	-0.441063	0.255424
XLOC_007370	LOC440300	chr15:84860599-84898920	0.171859	0.126638	-0.440519	1
XLOC_004260	EEF1G	chr11:62327072-62341460	4556.24	3357.71	-0.440367	0.347004
XLOC_006707	SLC7A7	chr14:23242431-23289020	0.19796	0.145892	-0.44031	1
XLOC_002827	C10orf111	chr10:15137383-15146256	0.167306	0.123311	-0.440184	1
XLOC_008231	ZNRF1	chr16:75032914-75144892	15.0693	11.1072	-0.440117	0.223576
XLOC_022229	EPPK1	chr8:144939911-144947434	0.0128136	0.00944655	-0.439821	1
XLOC_015396	TSC22D2	chr3:150126787-150177611	9.25607	6.82466	-0.439642	0.266934
XLOC_015515	IL1RAP	chr3:190231839-190374981	3.18709	2.35022	-0.439444	0.449603
XLOC_003898	SLC37A2	chr11:124933012-12496041	0.291907	0.215409	-0.438429	1
XLOC_010690	KCNN1	chr19:18062110-18109930	0.237632	0.175359	-0.43842	1
XLOC_009922	LRRC37A3	chr17:62850487-62914903	0.0387976	0.028631	-0.438387	1
XLOC_007277	RPLP1	chr15:69745158-69747884	11841.4	8738.64	-0.438361	0.315903
XLOC_022908	C9orf153	chr9:88835179-88874572	0.0592014	0.0436918	-0.438268	1
XLOC_008382	TIGD7	chr16:3348807-3368576	0.131965	0.0974383	-0.43759	1
XLOC_007911	ZNF75A	chr16:3348807-3368576	1.39441	1.02965	-0.437493	0.624684
XLOC_007013	HERC2P7	chr15:23390721-23393943	3.46712	2.56068	-0.43721	0.48881
XLOC_004439	RAB30	chr11:82692477-82782884	0.359443	0.265526	-0.436907	0.836982
XLOC_002280	HNRNPU-AS1	chr1:244998638-245010241	6.25682	4.62206	-0.436895	0.32849
XLOC_003544	PPP1R32	chr11:61248584-61258400	0.665345	0.492057	-0.435278	0.79263
XLOC_001620	TLLL7	chr1:84259597-84464833	0.171518	0.12686	-0.435119	1
XLOC_008436	MYH11	chr16:15737123-15950887	0.0878395	0.0649822	-0.434826	1
XLOC_005330	HIST4H4	chr12:14923653-14924065	0.750426	0.555293	-0.434461	0.941637
XLOC_014587	TEF	chr22:41763336-41795332	2.74996	2.035	-0.434381	0.400128
XLOC_010387	LMAN1	chr18:56995055-57026508	2.34273	1.73374	-0.434301	0.349665
XLOC_015580	TMEM40	chr3:12775391-12800808	0.118021	0.087345	-0.434242	1
XLOC_001320	LOC100506730	chr1:19619740-19622230	1.94072	1.4363	-0.43424	0.513155

XLOC_003507	DTX4	chr11:58939811-58980494	1.40847	1.04254	-0.434021	0.453988
XLOC_001725	BCL2L15	chr1:114356432-11444774	0.0621947	0.0460379	-0.43397	1
XLOC_010911	ZNF230	chr19:44507076-44518072	0.784132	0.580617	-0.433511	0.550446
XLOC_018024	LOC100508120	chr6:2245986-2413825	0.64289	0.476091	-0.433334	0.771224
XLOC_003427	CRY2	chr11:45868668-45904799	4.89122	3.62256	-0.433185	0.326714
XLOC_006104	TP1	chr13:45911303-45915297	4824.89	3575.13	-0.432499	0.332289
XLOC_023518	HNRNPH2,RPL36A,RPL36A	chrX:100645877-100669121	1930.74	1430.69	-0.432442	0.287528
XLOC_000844	DDR2	chr1:162602227-162750247	0.112589	0.0834373	-0.432302	1
XLOC_022479	MSANTD3,MSANTD3-TMEF	chr9:103189494-103339918	83.3707	61.8171	-0.431535	0.215563
XLOC_010736	RPSAP58	chr19:23945815-24010919	52.5585	38.9712	-0.431516	0.212399
XLOC_008175	PLEKHG4	chr16:67311412-67360661	4.36664	3.23906	-0.430949	0.348909
XLOC_022095	GEM	chr8:95261484-95274547	1.80764	1.3409	-0.430906	0.582884
XLOC_008306	TUBB3	chr16:89988416-90002505	69.4501	51.5374	-0.430357	0.200886
XLOC_016468	ENPEP	chr4:111397228-111484493	0.0416169	0.0308867	-0.430184	1
XLOC_018516	PDE7B	chr6:136172833-136516708	0.145475	0.107974	-0.430087	1
XLOC_010547	TGFB3R3L	chr19:7981031-7983980	0.484907	0.360073	-0.429418	0.938194
XLOC_003440	DDB2	chr11:47236492-47260769	28.0993	20.8666	-0.429339	0.236139
XLOC_008666	ZNF821	chr16:71893582-71918093	5.85488	4.34891	-0.428986	0.425831
XLOC_008594	ZNF319	chr16:58028572-58033762	3.49655	2.59776	-0.428666	0.398538
XLOC_012055	GREB1	chr2:11674241-11782912	0.0723646	0.0537747	-0.428356	1
XLOC_010804	HCS2	chr19:36393381-36395173	2.09378	1.55593	-0.428335	0.848789
XLOC_020872	LOC100128822	chr7:152161208-152162630	9.15626	6.80555	-0.428047	0.477937
XLOC_008806	ACADVL	chr17:7093209-7128586	135.748	100.903	-0.427954	0.356483
XLOC_016600	C4orf47	chr4:186350544-186392913	1.37391	1.02129	-0.427904	0.759967
XLOC_002670	CUX1	chr7:101459183-101927250	27.6477	20.5573	-0.427506	0.343608
XLOC_018374	SMAP1	chr6:71377478-71666788	3.93398	2.9252	-0.427452	0.381306
XLOC_000758	HCN3	chr1:155247217-155271228	0.849307	0.631592	-0.427293	0.731633
XLOC_023686	ZNF185	chrX:152082985-152142028	0.166882	0.12411	-0.427213	1
XLOC_002994	TTC18	chr10:75007124-75118617	0.465257	0.34602	-0.427172	0.931372
XLOC_007701	CSPG4	chr15:75966662-76005189	0.0176129	0.0130992	-0.427156	1
XLOC_023378	CCDC120	chrX:48910960-48927510	0.359293	0.267402	-0.42615	0.739919
XLOC_011950	LENG9	chr19:54960064-54974894	16.0176	11.9226	-0.425956	0.650855
XLOC_012178	PPP1R21	chr2:48667907-48742531	3.7827	2.81593	-0.425805	0.34222
XLOC_000319	RIMKLA	chr1:42846467-42889900	2.92393	2.1769	-0.425637	0.280427
XLOC_001796	MTMR11	chr1:149900542-149908793	2.93798	2.18783	-0.425325	0.471178
XLOC_022183	KCNQ3	chr8:133133104-133493004	0.00881967	0.0065682	-0.425226	1
XLOC_020840	ZNF783	chr7:148959261-148982088	2.05528	1.53068	-0.425158	0.476185
XLOC_021904	PHYHIP	chr8:22077215-22089851	0.174401	0.129904	-0.424966	1
XLOC_010778	FXYD7	chr19:35634153-35645205	0.304668	0.226964	-0.424775	1
XLOC_000916	KIAA1614	chr1:180882312-180915238	0.0287846	0.0214446	-0.424684	1
XLOC_016491	BBS12	chr4:123653856-123666098	0.735512	0.547979	-0.42463	0.624281
XLOC_011434	EPOR	chr19:11487880-11495018	6.3471	4.72939	-0.424443	0.397842
XLOC_022032	LOC100505718	chr8:69824037-70016425	4.09186	3.04896	-0.42444	0.401852
XLOC_010672	OCEL1	chr19:17337054-17340028	25.3236	18.872	-0.424238	0.33202
XLOC_009468	LOC284023	chr17:7816639-7819265	5.31575	3.96155	-0.424208	0.373169
XLOC_020416	CREB5	chr7:28338939-28865511	3.31328	2.46931	-0.424152	0.258126
XLOC_015439	LRRIQ4	chr3:169539709-169555560	0.0446799	0.0333043	-0.423918	1
XLOC_020841	LOC155060	chr7:148982371-148994403	3.78023	2.81804	-0.42378	0.442443
XLOC_007753	GOLGA6L5	chr15:85045805-85060078	0.236098	0.176038	-0.423503	1
XLOC_015894	FSTL1	chr3:120113060-120169918	0.0371775	0.0277212	-0.423441	1
XLOC_007210	GABPB1-AS1	chr15:50569388-50650503	1.46187	1.09047	-0.42286	0.867538
XLOC_004913	TMEM198B	chr12:56211805-56236767	2.26304	1.68824	-0.422738	0.931355
XLOC_005831	PDX1	chr13:28494167-28500451	2.47194	1.84494	-0.422069	0.590605
XLOC_008400	ZNF500	chr16:4800814-4817166	4.14552	3.09453	-0.421835	0.433992
XLOC_008660	ZNF19	chr16:71507975-71523254	0.812556	0.606603	-0.421714	0.657414
XLOC_022846	ZNF658	chr9:40771401-40792112	0.223625	0.166946	-0.421704	1
XLOC_024037	RPL39	chrX:118920468-118925601	9537.85	7121.28	-0.421528	0.309063
XLOC_005594	NAP1L1	chr12:76438671-76478738	166.074	124.006	-0.421418	0.263143
XLOC_014411	TBX1	chr22:19744225-19771112	2.09966	1.56798	-0.421245	0.728031
XLOC_000409	ACOT11	chr1:55013806-55100417	0.244739	0.182768	-0.421229	1
XLOC_015825	GBE1	chr3:81538849-81810950	31.0307	23.1746	-0.421154	0.229414
XLOC_020844	ZNF862	chr7:149535508-149564568	1.33219	0.995078	-0.420923	0.461971
XLOC_018538	UTRN	chr6:144612872-145174170	1.19509	0.892696	-0.420883	0.326673
XLOC_021403	SMARCD3	chr7:150936058-150974231	61.0166	45.5953	-0.420317	0.235468
XLOC_016712	RPL9	chr4:39455744-39460568	5326.71	3980.98	-0.420122	0.345217
XLOC_018825	NUDT3,RPS10,RPS10-NUD	chr6:34254972-34393902	6470.17	4835.64	-0.420095	0.332187
XLOC_022464	FAM22G	chr9:99691285-99704572	0.105789	0.0790912	-0.419598	1
XLOC_011155	CACNG8	chr19:54466289-54493469	0.158793	0.118727	-0.419504	1
XLOC_010444	HMHA1	chr19:1065921-1095391	25.5715	19.124	-0.419155	0.850795
XLOC_002965	RUFY2	chr10:70103274-70167051	1.85769	1.38948	-0.418965	0.416586
XLOC_007779	IDH2	chr15:90627211-90645708	59.4212	44.446	-0.418923	0.234679
XLOC_011249	ZNF324B	chr19:58962970-58969199	2.34037	1.75074	-0.418772	0.551547
XLOC_022663	C9orf163	chr9:139334547-139380518	0.500572	0.37467	-0.417959	0.985095
XLOC_022251	ZNF34	chr8:145998500-146012728	1.77046	1.32519	-0.417922	0.6289
XLOC_010201	ELAC1	chr18:48494386-48514490	2.29927	1.72128	-0.417688	0.522318
XLOC_010823	ZNF527	chr19:37862058-37883966	1.02893	0.770397	-0.417471	0.501695
XLOC_000762	ASH1L-AS1	chr1:155305051-155533738	2.80339	2.09929	-0.417271	0.921486
XLOC_008066	HSD3B7	chr16:3096518-31000473	26.6062	19.9251	-0.417181	0.262818
XLOC_014986	NR1D2	chr3:23986750-24022109	3.65835	2.73986	-0.417089	0.310429

XLOC_004173	RAPSN	chr11:47459307-47470730	0.150902	0.11303	-0.416902	1
XLOC_000197	PDIK1L	chr1:26437655-26452039	2.15959	1.61762	-0.416885	0.40089
XLOC_012092	AGBL5	chr2:27274490-27294567	14.3672	10.762	-0.416832	0.849948
XLOC_001437	LOC653160	chr1:35441299-35444307	0.92689	0.694336	-0.416763	0.792779
XLOC_000017	SCNN1D	chr1:1215815-1227409	1.49237	1.11819	-0.416443	0.667938
XLOC_012333	NPAS2	chr2:101436612-101613287	8.92716	6.68911	-0.416386	0.293231
XLOC_003053	MYOF	chr10:95066185-95242074	14.4626	10.8372	-0.416333	0.217274
XLOC_013870	SNORD17	chr20:17922243-17949490	2.42668	1.81851	-0.41623	0.982907
XLOC_012236	DYSF	chr2:71680752-71913893	0.138617	0.103883	-0.416139	1
XLOC_014558	KDEL3	chr22:38864082-38902345	15.7951	11.8387	-0.415963	0.93165
XLOC_018244	SYNGAP1	chr6:33387846-33421466	3.68965	2.76639	-0.415479	0.41186
XLOC_020733	HILPDA	chr7:128095883-128098472	30.4092	22.804	-0.415222	0.29172
XLOC_001252	SLC2A5	chr1:9097004-9129887	0.0610137	0.0457652	-0.414882	1
XLOC_011575	ZNF675	chr19:23835707-23870017	2.05967	1.54517	-0.414646	0.520144
XLOC_004954	METTL21B	chr12:58166382-58176324	3.35024	2.51368	-0.414462	0.475737
XLOC_000846	RGS4	chr1:163038395-163046592	16.8679	12.6564	-0.414412	0.267105
XLOC_009320	ENGASE	chr17:77071018-77084685	4.82086	3.61769	-0.414222	0.366979
XLOC_006473	NRXN3	chr14:78636715-80334633	0.00199738	0.00149933	-0.413785	1
XLOC_008910	RNF112	chr17:19314490-19320589	0.354334	0.266023	-0.413557	0.804017
XLOC_018969	LCA5	chr6:80194707-80247147	0.304527	0.228692	-0.413116	1
XLOC_005073	TCP11L2	chr12:106696580-10674075	0.597426	0.448665	-0.413122	0.734977
XLOC_001647	GEMIN8P4	chr1:90458823-90460525	1.31754	0.989663	-0.412841	0.715655
XLOC_016534	RPS3A	chr4:152020724-152025802	4041.82	3036.89	-0.412413	0.361524
XLOC_007434	ALDH1A3	chr15:101420008-10145682	0.0340314	0.0255766	-0.412038	1
XLOC_000648	HYDIN2	chr1:146310551-146334210	0.00404031	0.00303688	-0.411877	1
XLOC_016796	CDKL2	chr4:76501703-76555721	0.201847	0.151789	-0.411191	1
XLOC_022024	SNHG6	chr8:67782983-67837777	1129.62	849.572	-0.411024	0.253547
XLOC_010931	APOC1	chr19:45417920-45422606	11.365	8.54866	-0.411083	0.641082
XLOC_020596	C7orf63	chr7:89874487-89940377	0.623316	0.468957	-0.410508	0.638499
XLOC_016829	FAM175A	chr4:84377117-84406290	5.85056	4.40195	-0.410433	0.618966
XLOC_015689	PFKFB4	chr3:48555116-48594227	58.3141	43.8803	-0.410271	0.311376
XLOC_001737	NHLH2	chr1:116378998-116383747	0.587298	0.441996	-0.410058	0.744334
XLOC_001761	LOC728875	chr1:144480745-144521965	0.160534	0.120852	-0.409629	1
XLOC_007639	IGDCC4	chr15:65673824-65715410	0.131483	0.0990013	-0.409358	1
XLOC_002655	DPCD	chr10:103348088-10336941	72.3257	54.4661	-0.40915	0.278399
XLOC_013196	CD302.LY75.LY75-CD302	chr2:160625138-160761267	0.431652	0.32514	-0.408805	0.686668
XLOC_024203	F8	chrX:154064063-154250991	3.19186	2.4043	-0.408782	0.610093
XLOC_010679	SLC27A1	chr19:17581299-17616977	6.18046	4.6558	-0.408684	0.393354
XLOC_001609	LRRIQ3	chr1:74491701-74663871	0.19222	0.144823	-0.408469	1
XLOC_010888	RPS19	chr19:42363987-42375484	6513.93	4907.84	-0.408441	0.355297
XLOC_003301	DNHD1	chr11:6518525-6593254	0.632974	0.476997	-0.408167	0.709891
XLOC_016286	LOC401127	chr4:39481874-39483523	0.0788738	0.0594385	-0.408148	1
XLOC_010867	LTBP4	chr19:41099071-41135725	13.8565	10.4469	-0.407484	0.295409
XLOC_003946	CDHR5	chr11:616564-625067	0.0182579	0.0137686	-0.407135	1
XLOC_011013	LIN7B	chr19:49617617-49622397	2.97444	2.24339	-0.406938	0.883938
XLOC_017383	PCDHB14	chr5:140603077-140605860	3.11922	2.35263	-0.406913	0.488875
XLOC_006061	HSPH1	chr13:31710762-31736117	4.64663	3.50481	-0.406847	0.378081
XLOC_021505	PDLIM2	chr8:22436253-22455538	156.722	118.228	-0.406634	0.261311
XLOC_005157	B3GNT4	chr12:122688227-12269208	2.34509	1.76927	-0.406489	0.687296
XLOC_004962	SRGAP1	chr12:64238540-64541613	0.533765	0.402968	-0.405554	0.571112
XLOC_002386	GPR158	chr10:25447000-25891157	0.166893	0.126031	-0.405144	1
XLOC_015265	GRAMD1C	chr3:113557680-113666027	0.767636	0.579689	-0.405143	0.618378
XLOC_006911	NOXRRED1	chr14:77860364-77889399	0.192163	0.145115	-0.405141	1
XLOC_010513	HSD11B1L	chr19:5678432-5688534	1.11738	0.84407	-0.404683	0.977103
XLOC_008878	C17orf76-AS1.SNORD49B	chr17:16342300-16395505	1363.12	1029.78	-0.404578	0.311553
XLOC_016748	CLOCK	chr4:56294067-56413076	0.800389	0.604708	-0.404462	0.461321
XLOC_018869	FRS3	chr6:41737913-41747630	4.42949	3.34695	-0.404295	0.525846
XLOC_003717	RPS3	chr11:75110534-75133345	3234.23	2443.88	-0.404253	0.459823
XLOC_016926	ANKRD50	chr4:125585203-125633887	1.15056	0.869403	-0.404238	0.419017
XLOC_005065	HCFC2	chr12:104458235-10450030	0.730784	0.552601	-0.403206	0.56075
XLOC_002583	IFIT1	chr10:91152302-91166244	0.163434	0.123611	-0.402907	1
XLOC_002948	FAM13C	chr10:60936347-61122661	0.00525809	0.00397755	-0.402656	1
XLOC_009818	HOXB5	chr17:46667822-46683774	2.49772	1.88973	-0.402432	0.85843
XLOC_004244	SLC15A3	chr11:60691912-60719257	2.6854	2.03212	-0.402147	0.965573
XLOC_011625	ZNF529	chr19:37034516-37096178	1.60927	1.21873	-0.401023	0.487618
XLOC_004067	LOC644656	chr11:9481102-9482245	2.03265	1.53939	-0.401005	0.716614
XLOC_014902	HDAC10	chr22:50683612-50689834	13.3848	10.1403	-0.400493	0.373076
XLOC_017954	LOC100268168	chr5:172381785-172386377	3.44221	2.60832	-0.400214	0.654501
XLOC_001000	CDK18	chr1:205473683-205501927	8.75912	6.63909	-0.3998	0.366894
XLOC_021526	EPHX2	chr8:27348518-27402439	5.17252	3.92073	-0.399746	0.44532
XLOC_000030	CALML6	chr1:1846265-1848733	0.143081	0.108474	-0.399484	1
XLOC_023770	INE2	chrX:15756411-15805748	2.43428	1.84568	-0.399342	0.738894
XLOC_018452	FAM229B	chr6:112391859-112423993	2.73408	2.07309	-0.399271	0.913628
XLOC_014824	DDX17	chr22:38864082-38902345	65.9137	49.981	-0.399199	0.334482
XLOC_006012	ANKRD20A9P	chr13:19408542-19446109	0.0870303	0.0660108	-0.398815	1
XLOC_004744	HTR7P1	chr12:13153375-13157764	0.944616	0.71652	-0.398721	0.638092
XLOC_022246	FOXH1	chr8:145691737-145701718	11.4427	8.67974	-0.398698	0.694038
XLOC_008881	CCDC144A	chr17:16593638-16678311	0.00224617	0.00170419	-0.398383	1
XLOC_016076	CCDC39	chr3:180331795-180397282	0.00687386	0.00521558	-0.398294	1

XLOC_007252	ANKDD1A	chr15:65204100-65251041	1.22674	0.930926	-0.39809	0.620054
XLOC_022843	ANKRD18A	chr9:38571360-38620360	0.456403	0.34636	-0.398035	0.711277
XLOC_012743	DUSP28	chr2:241499470-241503431	2.95131	2.23978	-0.397996	0.710885
XLOC_011078	ZNF613	chr19:52430687-52449011	1.75083	1.32912	-0.397571	0.580082
XLOC_016692	LOC100505912	chr4:22328989-22341289	0.180814	0.137263	-0.397566	1
XLOC_014624	LOC150381	chr22:46446338-46454402	4.56883	3.46844	-0.397536	0.535638
XLOC_007708	SCAPER	chr15:76640526-77176217	2.2796	1.73083	-0.397314	0.441206
XLOC_000351	RPS8	chr1:45241245-45244412	6297.59	4782.34	-0.397084	0.377699
XLOC_021728	DEPTOR	chr8:120885899-121063151	0.908387	0.68983	-0.397066	0.693737
XLOC_002772	KNDC1	chr10:134973970-13503991	1.125	0.854388	-0.396964	0.603222
XLOC_023177	LCN15	chr9:139654085-139658961	0.397483	0.301881	-0.396914	0.933023
XLOC_016823	THAP9-AS1	chr4:83814604-83841284	14.1471	10.7455	-0.396784	0.364043
XLOC_009714	KRT34	chr17:39533920-39538636	0.0844596	0.0641518	-0.396773	1
XLOC_001950	TAGLN2	chr1:159887902-159895281	99.1896	75.3559	-0.396469	0.281427
XLOC_012641	C2orf62	chr2:219221578-219232811	0.125499	0.0953474	-0.396411	1
XLOC_007580	DMXL2	chr15:51739920-51914967	2.08042	1.58075	-0.396263	0.354217
XLOC_007941	SNN	chr16:11762288-11836648	8.30269	6.31046	-0.395833	0.619184
XLOC_016687	FAM184B	chr4:17633708-17783135	0.189418	0.143978	-0.395727	1
XLOC_014316	SETD4	chr21:37406838-37432819	8.68458	6.60311	-0.395312	0.525846
XLOC_023106	CCBL1	chr9:131595391-131644351	11.8945	9.04423	-0.395228	0.402402
XLOC_011425	ILF3-AS1	chr19:10762537-10764548	7.44458	5.66113	-0.3951	0.44532
XLOC_014826	FAM227A	chr22:38974124-39052634	0.125653	0.0955662	-0.394869	1
XLOC_010974	GLTSCR2	chr19:48248792-48260323	813.019	618.378	-0.3948	0.2823
XLOC_019160	OSTCP1	chr6:159262157-159278661	0.125337	0.0953408	-0.394642	1
XLOC_020954	SP8	chr7:208218938-20826508	0.347792	0.264619	-0.394307	1
XLOC_021877	FAM90A25P	chr8:12272029-12275541	0.816159	0.621006	-0.394242	0.806008
XLOC_000577	UBL4B	chr1:110655061-110656561	0.0957322	0.0728507	-0.394061	1
XLOC_011551	TSSK6	chr19:19625027-19626469	1.92784	1.46713	-0.393983	0.805942
XLOC_022566	ZBTB34	chr9:129622943-129648151	2.71469	2.06678	-0.393403	0.381083
XLOC_016322	SRD5A3	chr4:56212387-56251747	4.85423	3.69629	-0.393164	0.363804
XLOC_018235	HSD17B8	chr6:33172413-33174608	8.11047	6.17588	-0.393142	0.553778
XLOC_021145	KIAA1324L	chr7:86506222-86689014	0.335788	0.255694	-0.393135	1
XLOC_007664	UACA	chr15:70946892-71055850	1.02428	0.779994	-0.393078	0.484559
XLOC_001885	THBS3	chr1:155165378-155177771	1.9058	1.4514	-0.392955	0.568271
XLOC_000736	RPS27	chr1:153963238-153964631	12345.8	9402.34	-0.392933	0.377699
XLOC_001305	MST1L	chr1:17081128-17090975	0.285382	0.217364	-0.392783	1
XLOC_006739	DHRS1	chr14:24759803-24769039	1.9742	1.50368	-0.39277	0.713567
XLOC_015374	RASA2	chr3:141205925-141331191	0.643091	0.489973	-0.39232	0.721145
XLOC_011917	ZNF83	chr19:53115617-53193886	2.86013	2.17916	-0.392309	0.474838
XLOC_018112	BTN3A3	chr6:26440699-26453643	1.07575	0.819708	-0.392161	0.668888
XLOC_003006	C10orf55	chr10:75669726-75682535	0.265143	0.202036	-0.392153	1
XLOC_020438	BBS9	chr7:33169151-33645680	1.8617	0.904052	-0.391828	0.585471
XLOC_006364	LGALS3	chr14:55595934-55612148	56.2068	42.8463	-0.391573	0.294176
XLOC_001646	FLJ27354	chr1:90090407-90098453	1.04888	0.799568	-0.391553	0.855739
XLOC_010913	ZNF223	chr19:44556163-44572142	1.15548	0.880925	-0.391399	0.658298
XLOC_009031	TCAP	chr17:37821598-37822807	0.244633	0.186512	-0.39135	1
XLOC_006639	EXOC3L4	chr14:103566480-10357681	0.0683359	0.0521225	-0.390736	1
XLOC_010514	RPL36	chr19:5690271-5691678	6241.27	4760.67	-0.390673	0.346844
XLOC_002129	ETNK2	chr1:204100189-204121301	1.59817	1.21916	-0.390536	0.687296
XLOC_021138	SEMA3C	chr7:80371853-80548667	0.373358	0.28482	-0.39051	0.72508
XLOC_000984	BTG2	chr1:203274663-203278721	11.7071	8.93206	-0.390313	0.330411
XLOC_021088	LOC493754	chr7:66018552-66043498	4.93657	3.76655	-0.390268	0.410394
XLOC_015848	SENP7	chr3:101043117-101232081	1.22789	0.93691	-0.390196	0.511589
XLOC_010816	ZNF567	chr19:37180301-37212225	2.73569	2.08742	-0.390181	0.499123
XLOC_008293	ZNF778	chr16:89284110-89295965	0.363831	0.277632	-0.390092	0.769283
XLOC_003788	BIRC3	chr11:102188180-10221011	0.803735	0.613361	-0.389983	0.625
XLOC_020928	ZNF12	chr7:6728063-6746566	4.44271	3.39068	-0.389868	0.334851
XLOC_002644	PAX2	chr10:102505467-10258961	1.81715	1.38724	-0.389452	0.636434
XLOC_013303	LOC100507140	chr2:201560445-201658941	0.00954883	0.00729038	-0.389331	1
XLOC_008376	HCFC1R1	chr16:3072625-3077756	401.005	306.196	-0.389166	0.590525
XLOC_001866	RAB13	chr1:153954092-153958851	96.0739	73.3614	-0.389124	0.308112
XLOC_022365	ANKRD20A2,ANKRD20A3	chr9:42368302-42411863	0.00400481	0.00305844	-0.38894	1
XLOC_011225	ZNF419	chr19:57999078-58006048	2.8249	2.15751	-0.388835	0.515524
XLOC_014759	GATSL3	chr22:30681106-30685616	3.95911	3.02444	-0.388511	0.650674
XLOC_024151	IDS	chrX:148560294-148586881	12.7304	9.72749	-0.388142	0.551547
XLOC_001031	HHAT	chr1:210501595-210849631	0.576575	0.440618	-0.387978	0.711382
XLOC_018665	KIAA0319	chr6:24544331-24646383	0.0726325	0.0555279	-0.387403	1
XLOC_022255	ZNF16	chr8:146155743-146176271	11.9103	9.10747	-0.387086	0.345378
XLOC_000590	C1orf162	chr1:112016603-112021131	0.539091	0.412272	-0.386932	0.885624
XLOC_023359	ZNF81	chrX:47696300-47781655	0.150088	0.114791	-0.386799	1
XLOC_001567	PARS2	chr1:55222570-55230226	5.27992	4.03875	-0.386607	0.461971
XLOC_002824	CDFN	chr10:14861250-14879983	1.44813	1.10796	-0.386277	0.719177
XLOC_024110	ARHGFE6	chrX:135747711-135863501	0.395138	0.302344	-0.386167	0.701222
XLOC_000557	GPSM2	chr1:109419602-109506111	1.74343	1.33417	-0.385989	0.908129
XLOC_008620	LRRCC29	chr16:67241041-67260901	1.02639	0.785545	-0.385813	0.829409
XLOC_009250	ARSG	chr17:66255322-66417000	0.751675	0.575308	-0.385774	0.8501
XLOC_020550	CLIP2	chr7:73703804-73820273	18.5491	14.1977	-0.385698	0.293988
XLOC_020694	SLC26A4	chr7:107296960-107358251	0.0732407	0.0560625	-0.385611	1
XLOC_018959	EEF1A1	chr6:74225472-74230755	6577.58	5035.02	-0.385561	0.736262

XLOC_021097	NSUN5P2	chr7:72349935-72425302	6.65347	5.09378	-0.385369	0.926446
XLOC_012105	GCKR	chr2:27719705-27746550	0.154528	0.118312	-0.385276	1
XLOC_010233	SERPIN2	chr18:61554938-61571124	0.0087415	0.00669328	-0.385168	1
XLOC_000360	HPDL	chr1:45792544-45794346	12.2697	9.39556	-0.385048	0.43694
XLOC_013059	ACTR1B	chr2:98272401-98280561	85.2547	65.303	-0.38463	0.2815
XLOC_013825	PCED1A	chr20:2815960-3019315	16.2388	12.4387	-0.384615	0.857925
XLOC_008204	NFAT5	chr16:69599868-69738569	3.03953	2.32835	-0.384541	0.300649
XLOC_001049	CENPF	chr1:214776531-21483791	4.87178	3.73199	-0.384505	0.355274
XLOC_018175	ATAT1	chr6:30594612-30614598	1.68031	1.28723	-0.384446	0.724812
XLOC_013954	SOGA1	chr20:35405844-35492087	0.519966	0.398412	-0.384156	0.766404
XLOC_022233	OPLAH	chr8:145106166-14511558	36.6593	28.0935	-0.383943	0.29688
XLOC_016035	RARRES1	chr3:158414896-15845027	1.43342	1.09905	-0.383204	0.754022
XLOC_022089	TRIQK	chr8:93895757-93978372	2.43776	1.86938	-0.383	0.474273
XLOC_008811	KCTD11	chr17:7255207-7258262	15.0173	11.5163	-0.382951	0.351158
XLOC_021289	IQB	chr7:123092235-12317471	0.0141136	0.010824	-0.382857	1
XLOC_006098	CCDC122	chr13:44410488-44468068	1.17828	0.903647	-0.382855	0.8576
XLOC_005804	IL17D	chr13:21277441-21297237	2.79906	2.14718	-0.382496	0.670347
XLOC_009920	LOC146880	chr17:62745779-62778117	11.1436	8.54937	-0.382328	0.430709
XLOC_002108	PHLDA3	chr1:201434606-20143829	111.055	85.2039	-0.382281	0.315903
XLOC_021781	TIGD5	chr8:144680073-14468248	27.8532	21.37	-0.382258	0.367131
XLOC_010726	ZNF431	chr19:21324839-21368805	2.13634	1.63924	-0.382112	0.494645
XLOC_019032	ZBTB24	chr6:109783718-10980444	3.9189	3.00743	-0.381917	0.778901
XLOC_002584	IFIT5	chr10:91174324-91180759	2.97657	2.28434	-0.381871	0.451265
XLOC_001471	RHBDL2	chr1:39351478-39407456	0.0986634	0.0757328	-0.381597	1
XLOC_017411	FBXO38	chr5:147763497-14782239	6.24949	4.79737	-0.381495	0.355297
XLOC_023070	RPL35	chr9:127615695-12762424	10480.9	8047.42	-0.381164	0.407462
XLOC_004519	C11orf92	chr11:111164113-1111794	0.113275	0.0869952	-0.380823	1
XLOC_000333	MPL	chr1:43803474-43820135	0.0420953	0.0323313	-0.380729	1
XLOC_000420	FGGY	chr1:59762624-60228402	8.47116	6.50629	-0.380725	0.45016
XLOC_020561	NSUN5P1	chr7:75039623-75115568	8.39607	6.4493	-0.380572	0.900578
XLOC_003337	PARVA	chr11:12399025-12556903	4.24393	3.26006	-0.380503	0.314596
XLOC_002645	FAM178A	chr10:102672325-1027248	3.85679	2.96314	-0.380277	0.833863
XLOC_001292	FLJ37453	chr1:16160709-16266950	2.81015	2.15904	-0.380253	0.935939
XLOC_009354	HEXDC	chr17:80347085-80408707	2.90983	2.23593	-0.380062	0.962618
XLOC_012305	KCNIP3	chr2:95963071-96051825	2.65742	2.0422	-0.3799	0.585652
XLOC_015251	PHLDB2,PLCXD2	chr3:111393522-11169536	0.578033	0.444225	-0.379863	0.733942
XLOC_002439	FAM35DP	chr10:47379719-47421238	0.209868	0.161305	-0.379692	1
XLOC_010317	CDH2	chr18:25530929-25757445	0.00384657	0.00295678	-0.379545	1
XLOC_021235	POLR2J3	chr7:102178365-10221306	3.06904	2.36115	-0.3783	0.66067
XLOC_016563	LOC100505989	chr4:165675282-16572494	0.00522004	0.00401615	-0.378246	1
XLOC_007010	TUBGCP5	chr15:22833394-22873891	5.04724	3.88334	-0.378195	0.392999
XLOC_000010	AGRN	chr1:955502-991499	13.8825	10.6866	-0.377473	0.345568
XLOC_008265	CRISPLD2	chr16:84853586-84943116	0.040168	0.030928	-0.377133	1
XLOC_023326	CYBB	chrX:37639269-37672714	0.053581	0.0412569	-0.377086	1
XLOC_012564	NAB1	chr2:191513847-19155749	4.67495	3.60071	-0.376671	0.372739
XLOC_004624	C11orf45	chr11:128761312-1287879	0.131423	0.101245	-0.376372	1
XLOC_014985	RPL15	chr3:23933571-23965187	1218.26	938.706	-0.376078	0.409587
XLOC_000552	FAM102B	chr1:109102970-10918194	2.0449	1.57628	-0.375511	0.475737
XLOC_002197	HMIPL2	chr1:222695601-22272144	0.177922	0.13716	-0.375391	1
XLOC_017274	COMMD10	chr5:115420726-11562897	7.06478	5.44763	-0.375016	0.502424
XLOC_022413	LOC389765	chr9:88420916-88457794	0.51739	0.398985	-0.374917	0.819681
XLOC_009484	RPL26	chr17:8280833-8286565	6452.9	4976.29	-0.374877	0.436312
XLOC_021256	CCDC71L	chr7:106297210-10630163	3.10646	2.39578	-0.374775	0.475961
XLOC_013962	TGM2	chr20:36756863-36793700	122.461	94.4489	-0.374718	0.33875
XLOC_012318	ANKRD36	chr2:97779232-97930257	0.324706	0.250458	-0.374567	1
XLOC_002799	ASB13	chr10:5680819-5708558	14.2012	10.9592	-0.373869	0.3802
XLOC_001249	RERE	chr1:8412463-8877699	4.13108	3.18804	-0.373851	0.428495
XLOC_021474	LOC100506990	chr8:12294521-12523120	4.37827	3.37892	-0.373798	0.621207
XLOC_013040	ZNF514	chr2:95813399-95825263	1.23758	0.955119	-0.373769	0.634201
XLOC_015857	MYH15	chr3:108099215-10824816	0.134432	0.103757	-0.373668	1
XLOC_017628	RPL37	chr5:40831429-40835387	1100.88	849.909	-0.373272	0.397842
XLOC_018332	SLC25A27	chr6:46620651-46645927	1.26787	0.979311	-0.372573	0.665039
XLOC_001506	TMEM53	chr1:45119500-45140099	2.50099	1.93195	-0.372443	0.703567
XLOC_009327	RNF213	chr17:78234659-78411884	1.32144	1.02078	-0.372428	0.580078
XLOC_014205	PFKL	chr21:45719924-45747261	62.4562	48.2622	-0.37195	0.317612
XLOC_023187	LOC100289341	chr9:139979397-13998126	1.73728	1.34252	-0.371892	0.75494
XLOC_010939	BLOC1S3	chr19:45682002-45685058	12.4927	9.65859	-0.371197	0.430326
XLOC_010476	TMEM53	chr19:2977535-2995182	6.99047	5.40468	-0.371178	0.525846
XLOC_014992	ZCWPW2	chr3:28431986-28566632	0.140497	0.108632	-0.371086	1
XLOC_008784	ENO3	chr17:4854383-4860426	4.02937	3.11603	-0.370847	0.631256
XLOC_015991	PLSCR4	chr3:145910123-14596896	0.00568981	0.00440177	-0.370298	1
XLOC_015823	ZNF717	chr3:75786028-75834255	0.175032	0.135459	-0.369763	1
XLOC_022953	LINC00476	chr9:98568369-98731122	4.33539	3.35527	-0.369731	0.827857
XLOC_002021	VAMP4	chr1:171669295-17171137	2.72249	2.10711	-0.369661	0.536951
XLOC_022820	TPM2	chr9:35681989-35690053	98.0124	75.8789	-0.369266	0.34477
XLOC_017763	PJA2	chr5:108670409-10874567	3.84116	2.97383	-0.369223	0.40453
XLOC_012606	EEF1B2	chr2:207024317-20702765	2379.15	1842.12	-0.369075	0.40089
XLOC_022232	PARP10	chr8:145051319-14506063	5.42642	4.20173	-0.36902	0.516201
XLOC_010765	GPI	chr19:34855644-34893318	339.207	262.661	-0.368963	0.38398

XLOC_016459	LEF1-AS1	chr4:108968700-10909758	0.353277	0.273571	-0.368888	0.988657
XLOC_013272	TFPI	chr2:188328957-18841921	16.6022	12.8568	-0.36884	0.530771
XLOC_004297	MACROD1	chr11:63766029-63933585	95.4551	73.9338	-0.368589	0.350775
XLOC_013761	RPS21	chr20:60962120-60963576	7926.78	6140.95	-0.368273	0.404874
XLOC_023782	CXorf23	chrX:19930979-19988382	0.526684	0.408178	-0.367738	0.648914
XLOC_012634	RPL37A	chr2:217363519-21736618	11584.7	8978.48	-0.367677	0.440427
XLOC_005329	GUCY2C	chr12:14765567-14849519	0.00391412	0.00303391	-0.36751	1
XLOC_011444	ZNF20,ZNF625	chr19:12242167-12267546	1.85572	1.4386	-0.367316	0.580411
XLOC_004507	KBTD3	chr11:105921824-1059694	0.747188	0.579268	-0.36724	0.942472
XLOC_023178	KIAA1984-AS1	chr9:139690789-13973563	0.755568	0.58584	-0.367054	0.987693
XLOC_015065	TMEM42	chr3:44903379-44907154	13.399	10.39	-0.366923	0.558681
XLOC_003897	CCDC15	chr11:124824016-1249113	0.0710599	0.0551074	-0.366788	1
XLOC_015594	COLQ	chr3:15491639-15563258	0.602224	0.467039	-0.366758	0.773127
XLOC_009322	CBX2	chr17:77751976-77761449	7.8546	6.09144	-0.366754	0.42091
XLOC_022674	MMDC4	chr9:139746818-13975525	2.60716	2.02198	-0.36671	0.62544
XLOC_018420	KLHL32	chr6:97372495-97862283	0.0311571	0.0241687	-0.366421	1
XLOC_014649	LOC100144603	chr22:51021454-51022355	2.23773	1.73641	-0.365932	0.881391
XLOC_008177	HSD11B2	chr16:67465035-67471454	9.27945	7.20056	-0.365929	0.532841
XLOC_012604	PARD3B	chr2:205410515-20648488	0.378886	0.294044	-0.365729	0.69673
XLOC_001736	CASQ2	chr1:116242625-11631142	0.0058024	0.00450329	-0.365671	1
XLOC_013537	PCSK2	chr20:17206751-17465222	0.00385266	0.00299044	-0.365499	1
XLOC_023044	TRAF1	chr9:123664670-12369145	1.04523	0.811478	-0.365203	0.688363
XLOC_013836	SPEF1	chr20:3758150-3762102	0.138153	0.107291	-0.36474	1
XLOC_018321	C6orf223	chr6:43968336-43973694	0.13826	0.107386	-0.364573	1
XLOC_005053	GASL2L3	chr12:100967488-1010186	0.336799	0.261605	-0.364497	1
XLOC_014450	GNAZ	chr22:23401592-23484241	4.51744	3.50904	-0.364428	0.535638
XLOC_016925	NUDT6	chr4:123747862-12384415	5.36655	4.16906	-0.364271	0.621135
XLOC_011022	RPL13A	chr19:49990810-49995564	10652.1	8275.72	-0.364178	0.59496
XLOC_006906	IRF2BPL	chr14:77490885-77495042	9.51786	7.39478	-0.364131	0.440376
XLOC_002688	MXI1	chr10:111967362-1120471	11.4505	8.89791	-0.363873	0.384339
XLOC_007739	GOLGA6L10	chr15:83009406-83018198	0.0592449	0.0460387	-0.363842	1
XLOC_007430	LRRC28	chr15:99791651-99926498	4.18233	3.25058	-0.363609	0.648914
XLOC_010973	EHD2	chr19:48216600-48246391	8.26191	6.42158	-0.363547	0.461481
XLOC_005591	CASP2	chr12:75669758-75723836	0.0595149	0.0462591	-0.363514	1
XLOC_021078	ZNF479	chr7:57187325-57207571	0.00682786	0.00530714	-0.363499	1
XLOC_001340	HSPG2	chr1:22138757-22263750	1.53444	1.19278	-0.363381	0.498433
XLOC_022849	MGC21881	chr9:41952398-41955076	1.39712	1.08615	-0.363233	0.707157
XLOC_013858	JAG1	chr20:10618331-10654694	1.62332	1.26219	-0.363021	0.557793
XLOC_005481	KRT8	chr12:53290970-53346685	22.409	17.4242	-0.362985	0.925753
XLOC_013904	ZNF337	chr20:25654850-25677469	4.13095	3.21249	-0.362783	0.480093
XLOC_017237	FAM81B	chr5:94727047-94786144	0.0102165	0.00794544	-0.362705	1
XLOC_013573	FAM182A	chr20:26035249-26067553	0.0252288	0.0196223	-0.362577	1
XLOC_002684	CCDC147	chr10:106113521-1062148	0.377691	0.293767	-0.362536	0.804518
XLOC_008591	CCDC102A	chr16:57546089-57570477	5.90108	4.59249	-0.361702	0.575149
XLOC_022215	RHPN1-AS1	chr8:144448792-14445080	2.89	2.24939	-0.361535	0.674625
XLOC_002026	LOC100506023	chr1:173204198-17344629	0.0468905	0.0365003	-0.361386	1
XLOC_010445	GPX4	chr19:1103935-1106787	429.141	334.056	-0.361363	0.360818
XLOC_014724	GSST1	chr22:24376138-24384284	56.8148	44.2267	-0.36135	0.3703
XLOC_021452	FAM86B3P	chr8:8086091-8102387	2.23461	1.73958	-0.361282	0.763481
XLOC_001855	S100A3	chr1:153519808-15352173	4.12009	3.20746	-0.361243	0.762454
XLOC_013743	NPEPL1,STX16	chr20:57226308-57290900	35.4065	27.5702	-0.360906	0.476932
XLOC_015710	CCDC71	chr3:49199967-49203785	16.045	12.4944	-0.360843	0.447957
XLOC_006714	CDH24	chr14:23516269-23526747	11.6696	9.09027	-0.360363	0.432653
XLOC_006657	ZBTB42	chr14:105266932-1052710	4.9225	3.83516	-0.360106	0.499257
XLOC_000019	GLTPD1	chr1:1260142-1264276	23.8217	18.5641	-0.35976	0.409651
XLOC_000226	SMPDL3B	chr1:28261503-28285663	2.06316	1.60787	-0.359712	0.71913
XLOC_014460	DDTL	chr22:24309025-24322019	2.30395	1.79554	-0.359687	0.977103
XLOC_018128	HIST1H2AI	chr6:27775976-27776445	1.04381	0.813487	-0.35967	0.948088
XLOC_016109	BCL6	chr3:187416046-18746351	3.40228	2.65155	-0.359665	0.558681
XLOC_001915	CRABP2	chr1:156669399-15667560	180.184	140.438	-0.359532	0.36192
XLOC_021688	LAPTM4B	chr8:98787808-98864830	1.41674	1.1044	-0.359314	0.721549
XLOC_014002	NEURL2	chr20:44517110-44541003	2.09093	1.63039	-0.358927	0.989365
XLOC_002478	JMJD1C-AS1	chr10:64926987-65226322	0.952864	0.743036	-0.358837	0.986822
XLOC_004923	ZC3H10	chr12:56512029-56516278	3.3452	2.60908	-0.358548	0.619804
XLOC_018586	LOC729603	chr6:160390130-16052758	0.282793	0.220567	-0.358528	1
XLOC_017509	FGFR4	chr5:176513920-17652512	11.6541	9.08994	-0.358496	0.466056
XLOC_016075	PEX5L	chr3:179512746-17975484	0.010319	0.00804887	-0.358451	1
XLOC_012513	METAP1D	chr2:172864803-17294558	1.0314	0.804531	-0.358388	0.796546
XLOC_007508	C15orf56	chr15:40453209-40569688	1.7262	1.34681	-0.358051	0.979701
XLOC_007570	FAM227B	chr15:49447975-49913118	0.576524	0.449907	-0.357755	0.979316
XLOC_007410	RCCD1	chr15:91498105-91506355	10.4165	8.12993	-0.357549	0.44093
XLOC_000062	PER3	chr1:7844762-7905237	0.253021	0.197501	-0.357394	1
XLOC_015178	SLC25A26	chr3:66119284-66550845	21.3007	16.6314	-0.356991	0.511691
XLOC_010601	ZNF491	chr19:11909390-11919306	0.305372	0.238466	-0.356781	1
XLOC_005637	CCDC38	chr12:96260825-96336428	0.00806422	0.00629867	-0.356488	1
XLOC_023479	TSIX	chrX:73012039-73072588	0.00881171	0.00688283	-0.356421	1
XLOC_013874	LINC00652	chr20:18768614-18776709	0.0121829	0.00951756	-0.356192	1
XLOC_008533	PRSS53	chr16:31085742-31100130	4.49415	3.51106	-0.356143	0.805925
XLOC_009463	SOX15	chr17:7486964-7493488	0.504211	0.393916	-0.356142	0.987693

XLOC_005815	C1QTNF9	chr13:24883715-24896669	0.0180648	0.0141146	-0.355999	1
XLOC_015704	IMPDH2	chr3:49061761-49066875	302.987	236.755	-0.355861	0.374085
XLOC_014971	BTD	chr3:15643254-15687325	1.50949	1.1796	-0.355758	0.713982
XLOC_004145	TRAF6	chr11:36505316-36531863	1.96787	1.53815	-0.355439	0.470298
XLOC_015587	GRIP2	chr3:14444105-14583588	0.0729053	0.0569881	-0.355364	1
XLOC_020753	C7orf45	chr7:129847703-129856684	0.0148929	0.0116439	-0.355043	1
XLOC_012561	C2orf88	chr2:191002485-191068210	1.09356	0.85504	-0.354966	0.616141
XLOC_016248	FAM200B	chr4:15683351-15692070	3.86218	3.0198	-0.354963	0.44532
XLOC_000472	DNAJB4	chr1:78470635-78482995	3.73968	2.9251	-0.354443	0.5728
XLOC_002423	ZNF32-AS2	chr10:44124264-44170147	0.45068	0.352524	-0.354381	0.980171
XLOC_000424	INADL	chr1:62208148-62629591	1.90093	1.48694	-0.354361	0.457397
XLOC_007553	FRMD5	chr15:44165729-44487429	2.47851	1.9388	-0.354313	0.663296
XLOC_010382	ATP8B1	chr18:55297533-55470327	0.0112155	0.0087736	-0.354248	1
XLOC_005979	METTL21EP	chr13:103532448-10354831	0.00722588	0.0056527	-0.354233	1
XLOC_023188	DPP7	chr9:140004991-140009191	350.362	274.174	-0.353757	0.373913
XLOC_009075	TUBG2	chr17:40811265-40819024	14.8827	11.6477	-0.353587	0.482701
XLOC_013708	ZFAS1	chr20:47862438-47905795	729.653	571.093	-0.353483	0.425888
XLOC_002519	FUT11	chr10:75532048-75535976	3.88698	3.04334	-0.352995	0.667938
XLOC_016736	FRYL	chr4:48499379-48782316	1.26566	0.991293	-0.352503	0.48321
XLOC_022739	RPS6	chr9:19376253-19380235	5195.04	4069.24	-0.352376	0.501458
XLOC_005712	IQCD	chr12:113633245-11365881	0.216896	0.169906	-0.352272	1
XLOC_002666	LOC100505761	chr10:104209573-10421601	10.2082	7.99733	-0.352132	0.545771
XLOC_009462	ZBTB4	chr17:7362684-7387568	8.14839	6.38414	-0.352024	0.393212
XLOC_000280	AGO4	chr1:36273827-36323490	2.0427	1.60112	-0.351392	0.504419
XLOC_014808	RAC2	chr22:37621309-37640305	7.98087	6.25596	-0.351316	0.598722
XLOC_011041	PTOV1	chr19:50341902-50363999	67.015	52.5328	-0.351265	0.406031
XLOC_021693	OSR2	chr8:99956630-99964326	10.0594	7.88598	-0.351186	0.545222
XLOC_017615	C5orf42	chr5:37106329-37249530	0.175941	0.137944	-0.351005	1
XLOC_022289	CNTLN	chr9:17135037-17503917	0.978286	0.767087	-0.350867	0.657414
XLOC_001003	FAM72A	chr1:206138910-206155074	1.48529	1.16471	-0.350769	0.731968
XLOC_008387	NLR3	chr16:3550944-3627392	0.161662	0.126772	-0.350739	1
XLOC_022961	ZNF510	chr9:99518146-99540328	1.66483	1.3056	-0.350659	0.532954
XLOC_015017	VILL	chr3:38035077-38048676	0.234311	0.183758	-0.350617	1
XLOC_003878	CRTAM	chr11:122709254-12274334	0.00649765	0.00509639	-0.350442	1
XLOC_008808	SLC2A4	chr17:7185053-7191367	0.768337	0.602642	-0.350437	0.790844
XLOC_009125	LRRRC37A	chr17:44372496-44439163	0.0294164	0.0230753	-0.350275	1
XLOC_011305	TLE2	chr19:2997635-3047633	34.2931	26.9046	-0.350066	0.423022
XLOC_023900	SPIN4	chrX:62567106-62571218	1.65452	1.29869	-0.349355	0.615694
XLOC_008538	PYDC1	chr16:31225341-31236510	0.499441	0.392084	-0.349151	0.978703
XLOC_008011	KDM8	chr16:27214806-27233089	0.607781	0.477146	-0.34912	0.823658
XLOC_016441	LOC100507053	chr4:100010007-100222513	0.0275824	0.0216548	-0.349066	1
XLOC_015581	RPL32	chr3:12876443-12883081	1514.1	1188.84	-0.348908	0.469423
XLOC_000955	C1orf53	chr1:197871681-197876497	1.90024	1.4921	-0.348844	0.881851
XLOC_015297	LOC100129550	chr3:122605359-122611263	1.09825	0.86246	-0.348668	0.612206
XLOC_007843	SOX8	chr16:1031807-1036979	18.0499	14.1767	-0.348464	0.436636
XLOC_011027	RPS11	chr19:49999621-50002969	6469.08	5080.97	-0.348457	0.469005
XLOC_004477	FAM76B	chr11:95502105-95522954	1.97667	1.55256	-0.348422	0.585654
XLOC_003731	AQP11	chr11:77300679-77321401	1.10101	0.864816	-0.348336	0.774191
XLOC_008068	ZNF646	chr16:31085742-31100130	2.45965	1.93212	-0.348267	0.657239
XLOC_006192	SLC15A1	chr13:99336054-99404929	0.00568311	0.00446426	-0.348259	1
XLOC_017247	RGMB	chr5:98104998-98132198	9.14715	7.18615	-0.348102	0.40453
XLOC_014677	C22orf39	chr22:19428409-19435755	13.7177	10.7771	-0.348079	0.488875
XLOC_007555	LOC645212	chr15:44826702-44829121	4.76619	3.74446	-0.348078	0.611988
XLOC_000324	C1orf50	chr1:43232915-43241413	12.0513	9.46962	-0.347814	0.544793
XLOC_020956	RAPGEF5	chr7:22157907-22396533	0.902161	0.70892	-0.347762	0.620336
XLOC_004941	INHBE	chr12:57849095-57851791	0.659406	0.518195	-0.347672	0.827341
XLOC_011961	PTPRH	chr19:55692614-55720874	0.893023	0.701985	-0.347257	0.734664
XLOC_000067	H6PD	chr1:9294862-9331394	3.4799	2.73547	-0.347256	0.458581
XLOC_002902	OR13A1	chr10:45798101-45811056	0.00967895	0.00760954	-0.347041	1
XLOC_008757	SGSM2	chr17:2240805-2284348	10.2335	8.04613	-0.346932	0.409587
XLOC_018159	HLA-G	chr6:29794755-29798899	0.105891	0.0832705	-0.346696	1
XLOC_004838	ASIC1	chr12:50451419-50477405	7.50915	5.90528	-0.346644	0.46196
XLOC_010825	ZNF793	chr19:37997840-38034239	0.00581826	0.00457617	-0.346449	1
XLOC_023445	STARD8	chrX:67867510-67945684	0.0238493	0.0187624	-0.346104	1
XLOC_005302	PRH1,PRR4	chr12:10998447-11328619	2.27685	1.7917	-0.345707	0.972989
XLOC_002874	ZEB1-AS1	chr10:31605456-31608024	3.37677	2.65735	-0.345655	0.631187
XLOC_015629	TRANK1	chr3:36868307-36986548	0.0390168	0.0307055	-0.345597	1
XLOC_007303	CLK3	chr15:74900712-74922542	20.0454	15.7764	-0.345502	0.456016
XLOC_014651	SHANK3	chr22:51113069-51171640	6.34526	4.99469	-0.345283	0.458817
XLOC_008074	ITGAX	chr16:31366508-31394318	0.893182	0.70308	-0.345265	0.730513
XLOC_013959	BLCAP	chr20:36145818-36156333	41.5207	32.6885	-0.345046	0.400064
XLOC_004688	LRRRC23	chr12:7013896-7023406	6.94173	5.4651	-0.345046	0.565586
XLOC_008505	FAM57B	chr16:30034654-30042186	0.189863	0.149504	-0.344778	1
XLOC_008045	ALDOA	chr16:30064410-30081741	4874.08	3838.87	-0.344447	0.550662
XLOC_010516	NRTN	chr19:5823817-5828335	9.4435	7.43875	-0.344262	0.731633
XLOC_011246	RPS5	chr19:58898635-58906171	5384.58	4241.66	-0.344204	0.498673
XLOC_019040	REV3L	chr6:111620233-111804414	0.555084	0.437293	-0.344107	0.627251
XLOC_018207	MSH5,SAPCD1	chr6:31707724-31732624	8.90976	7.01947	-0.344024	0.684267
XLOC_004846	METTL7A	chr12:51318533-51326300	0.0115185	0.00907535	-0.343924	1

XLOC_020344	LFNG	chr7:2552162-2568810	2.63849	2.07892	-0.343881	0.76657
XLOC_015045	NKTR	chr3:42589458-42690233	1.54194	1.21494	-0.343856	0.848172
XLOC_013209	COBLL1	chr2:165541257-165697921	0.106457	0.0838813	-0.343854	1
XLOC_012848	CCDC121	chr2:27848505-27917847	0.252311	0.19881	-0.343807	1
XLOC_015713	USP4	chr3:49314576-49377536	3.63216	2.86209	-0.343756	0.516969
XLOC_010686	RPL18A	chr19:17970686-17974133	6120.84	4823.28	-0.343717	0.46116
XLOC_022291	ADAMTSL1	chr9:18474078-18910947	0.813735	0.641325	-0.343502	0.845969
XLOC_000523	PTBP2	chr1:97187174-97280605	3.55533	2.8023	-0.343374	0.527259
XLOC_010830	C19orf33	chr19:38794199-38806606	281.873	222.234	-0.342967	0.627251
XLOC_001699	ALX3	chr1:110602996-110613322	1.55669	1.22739	-0.342892	0.824676
XLOC_023627	DDX26B	chrX:134654554-134716461	1.16044	0.915044	-0.34276	0.66589
XLOC_012757	D2HGDH	chr2:242674029-242708237	9.5016	7.49354	-0.342522	0.543551
XLOC_018648	LOC100130357	chr6:12717036-13295818	0.174129	0.13734	-0.342403	1
XLOC_020354	SLC29A4	chr7:5322560-5343704	15.3591	12.1154	-0.342258	0.466328
XLOC_022155	SNTB1	chr8:121547984-121824301	0.00352314	0.00277911	-0.342237	1
XLOC_007561	GATM	chr15:45653321-45672321	0.240622	0.189811	-0.342206	1
XLOC_004120	SLCSA12	chr11:26688565-26743574	0.00458667	0.00361824	-0.342159	1
XLOC_023722	FUNDC2	chrX:154255063-15428519	23.7104	18.7043	-0.342149	0.403849
XLOC_021748	MYC	chr8:128748314-128753681	261.263	206.111	-0.342086	0.428495
XLOC_010029	LINC00482	chr17:79276623-79283048	0.0751441	0.0592817	-0.342074	1
XLOC_012822	DNAJC27	chr2:25166504-25194963	0.733748	0.579075	-0.341535	0.710727
XLOC_016245	CPEB2	chr4:15004297-15071777	0.241459	0.190614	-0.34112	1
XLOC_004567	RPS25	chr11:118868851-11888901	5098.63	4025.53	-0.340929	0.471178
XLOC_020570	ZP3	chr7:76018645-76071388	12.6687	10.0029	-0.340855	0.545981
XLOC_005664	GLT8D2	chr12:104382764-104443397	0.104921	0.0828438	-0.340842	1
XLOC_010706	CRTC1	chr19:18794424-18893143	3.96109	3.12839	-0.340476	0.495922
XLOC_017397	KCTD16	chr5:143550436-143856947	0.0029321	0.00231584	-0.340397	1
XLOC_006878	ADAM20	chr14:70989077-71001732	0.0154284	0.0121857	-0.340396	1
XLOC_014552	EIF3L	chr22:38245378-38284789	295.124	233.123	-0.340232	0.41836
XLOC_014912	CHKB,CPT1B	chr22:51007289-51021428	18.1593	14.3455	-0.340114	0.516847
XLOC_017736	MBLAC2	chr5:89754019-89770585	1.45943	1.15296	-0.340066	0.634328
XLOC_001210	SLC35E2	chr1:1656276-1677438	3.59099	2.8372	-0.33991	0.729625
XLOC_011248	ZNF584	chr19:58920062-58929692	0.60599	4.79285	-0.339861	0.554467
XLOC_013482	C20orf202	chr20:1184097-1188918	0.0111295	0.00879441	-0.339734	1
XLOC_014910	ODF3B	chr22:50968837-50971008	10.7355	8.48303	-0.339732	0.730493
XLOC_021674	RBM12B-AS1	chr8:94743730-94753224	0.965693	0.763212	-0.339481	0.986822
XLOC_021053	SEPT7P2	chr7:45763385-45808617	1.83211	1.4483	-0.339144	0.695626
XLOC_005644	TMPO-AS1	chr12:98906750-98944157	1.5705	1.24168	-0.338923	0.976198
XLOC_013329	FZD5	chr2:208627309-208634114	2.80297	2.21637	-0.338757	0.526177
XLOC_015509	LPP	chr3:187868893-188608461	2.06845	1.6356	-0.338726	0.455302
XLOC_014231	TEKT4P2	chr21:9907188-9968593	9.46316	7.48345	-0.338618	0.707294
XLOC_013624	MMP24	chr20:33814538-33864804	4.85776	3.84153	-0.338612	0.522297
XLOC_014729	FAM211B	chr22:24979717-25024972	9.40325	7.43774	-0.338295	0.811389
XLOC_009760	LOC100130581	chr17:41447212-41466266	0.668254	0.528605	-0.338206	0.814226
XLOC_014660	CECR6	chr22:17597188-17602257	0.544643	0.430869	-0.338062	0.799255
XLOC_022474	TGFBR1	chr9:101867411-101916473	6.80001	5.37959	-0.33804	0.405147
XLOC_006853	ZBTB25	chr14:64953554-64970554	0.33495	2.40132	-0.337847	0.698196
XLOC_003428	MAPK8IP1	chr11:45907046-45928016	1.07248	0.848648	-0.337711	0.79263
XLOC_018209	HSPA1B	chr6:31795511-31798031	56.4771	44.6988	-0.337429	0.471178
XLOC_011810	RPL18	chr19:49118583-49133663	3832.94	3033.73	-0.337359	0.495649
XLOC_022673	PHPT1	chr9:139743255-139745491	138.998	110.033	-0.337135	0.411325
XLOC_008924	WSB1	chr17:25621105-25640645	42.2928	33.4809	-0.337071	0.419411
XLOC_012196	KIAA1841	chr2:61293005-61365169	0.369984	0.292928	-0.336917	0.774943
XLOC_014650	MAPK8IP2	chr22:51039130-51049979	1.06242	0.841312	-0.336647	0.817762
XLOC_002064	RNASL1	chr1:182542768-182558397	0.541254	0.428619	-0.336609	0.763859
XLOC_008274	FLJ30679	chr16:86588925-86590905	0.127672	0.101104	-0.336604	1
XLOC_023248	STS	chrX:7137471-7272682	0.201499	0.159573	-0.336555	1
XLOC_015005	CRTAP	chr3:33155449-33189265	38.4613	30.4617	-0.336413	0.41953
XLOC_014415	DGCR8	chr22:20067754-20104818	6.32442	5.00933	-0.336316	0.751467
XLOC_006120	RCBTB2	chr13:49063098-49107316	0.315446	0.249967	-0.336564	1
XLOC_009925	AXIN2	chr17:63524682-63557740	0.831084	0.658612	-0.335565	0.761735
XLOC_000397	ZYG11B	chr1:53192130-53293013	1.80077	1.42725	-0.335374	0.525846
XLOC_012396	RABL2A	chr2:114384816-114400971	1.39005	1.10194	-0.335093	0.771023
XLOC_008744	DBIL5P	chr17:655572-658576	0.313443	0.248521	-0.334838	1
XLOC_010484	C19orf71	chr19:3538262-3557571	0.339761	0.269391	-0.334817	1
XLOC_003259	SLC22A18	chr11:2909326-2946476	14.1324	11.2078	-0.334507	0.624393
XLOC_018316	POLH	chr6:43543877-43596936	2.07768	1.64781	-0.334422	0.954188
XLOC_013181	NEB	chr2:152341852-152591007	0.00679723	0.00539131	-0.334311	1
XLOC_001496	CCDC23	chr1:43272722-43310660	13.6304	10.8119	-0.334203	0.737375
XLOC_009349	RAC3	chr17:79989531-79992080	212.391	168.515	-0.333849	0.424277
XLOC_017934	C5orf54	chr5:159820154-159827061	1.4047	1.11467	-0.333647	0.714703
XLOC_012818	PFN4	chr2:24338243-24346151	0.295	0.234106	-0.333552	1
XLOC_011567	ZNF43	chr19:21987750-22034870	0.00277432	0.00220199	-0.333328	1
XLOC_023707	RPL10	chrX:153626570-153650061	1967.81	1561.98	-0.33322	0.55945
XLOC_005207	ZNF84	chr12:133613877-13363981	3.94741	3.13339	-0.333181	0.443332
XLOC_018245	ZBTB9	chr6:33422355-33425320	7.09759	5.63467	-0.332998	0.531362
XLOC_000276	ZMYM1	chr1:35544971-35581455	1.86594	1.48152	-0.332825	0.618093
XLOC_001904	PAQR6	chr1:156182778-156217901	3.40409	2.70291	-0.332758	0.954907
XLOC_007316	SNX33	chr15:75941347-75950968	27.1115	21.5296	-0.33258	0.453823

XLOC_005652	SYCP3	chr12:102091416-1021332	0.146866	0.116638	-0.332455	1
XLOC_023891	FAM104B	chrX:55169534-55187628	7.4116	5.88708	-0.332232	0.622934
XLOC_004357	TMEM134	chr11:67231818-67236748	28.0109	22.2507	-0.332141	0.585223
XLOC_008624	ZDHHC1	chr16:67428321-67450339	3.65663	2.90493	-0.33201	0.738182
XLOC_013572	LOC100134868	chr20:25990434-26002430	0.615446	0.488981	-0.331854	0.871957
XLOC_023528	LINC00630	chrX:102024094-10214033	0.25704	0.204234	-0.331769	1
XLOC_010893	ZNF526	chr19:42724491-42732353	3.61931	2.87606	-0.331621	0.580744
XLOC_008339	NME3	chr16:1820320-1821710	76.8043	61.0633	-0.330881	0.479982
XLOC_009465	SAT2	chr17:7494547-7536700	132.071	105.01	-0.330787	0.787831
XLOC_000327	ZNF691	chr1:43312243-43318146	7.71384	6.13368	-0.330696	0.601685
XLOC_022109	RPL30	chr8:99053937-99057818	7432.26	5910.17	-0.330602	0.53984
XLOC_018888	LRRC73	chr6:43474702-43478081	2.33791	1.85938	-0.330399	0.80741
XLOC_020972	KIAA0087	chr7:26572739-26578444	0.00357816	0.00284599	-0.330286	1
XLOC_021554	DDHD2	chr8:38089008-38120287	3.43377	2.73123	-0.330242	0.519452
XLOC_011937	OSCAR	chr19:54597932-54604148	2.55748	2.03427	-0.330207	0.7741
XLOC_009063	KLHL10	chr17:39994042-40004599	0.0909793	0.0723691	-0.330164	1
XLOC_012516	PDK1	chr2:173420778-17346386	22.2745	17.72	-0.330019	0.424017
XLOC_014207	LRRC3	chr21:45875392-45878739	1.79186	1.42557	-0.330919	0.753475
XLOC_009939	ABCA10,ABCA5	chr17:67144147-67323323	0.446158	0.354972	-0.329848	0.701805
XLOC_018656	KIF13A	chr6:17759413-17987854	1.40417	1.1172	-0.329833	0.669766
XLOC_023514	ARL13A	chrX:100224696-10024582	0.0157605	0.0125403	-0.329747	1
XLOC_023950	TTC3P1	chrX:74960372-74962914	0.124716	0.0992383	-0.329675	1
XLOC_007227	CGNL1	chr15:57668702-57842925	0.0282561	0.0224862	-0.329521	1
XLOC_004834	BCDIN3D-AS1	chr12:50222325-50236912	0.138381	0.110134	-0.329379	1
XLOC_009408	CAMKK1	chr17:3763616-3796337	5.50228	4.37957	-0.329242	0.556835
XLOC_005638	HAL	chr12:96366439-96390143	0.109275	0.086985	-0.329123	1
XLOC_000863	TBX19	chr1:168250277-16828366	0.623627	0.496433	-0.329086	0.820804
XLOC_009921	MIR4315-1,PLEKHM1P	chr17:62780958-62833302	1.81018	1.44105	-0.329011	0.833863
XLOC_014378	SSRP1	chr21:46490870-46493126	0.527723	0.420187	-0.32875	0.871877
XLOC_012898	UNQ6975	chr2:45401479-45482080	0.0164583	0.0131058	-0.328605	1
XLOC_005018	LOC338758	chr12:90102731-90105729	0.0466131	0.0371264	-0.328292	1
XLOC_001657	LOC100131564	chr1:93775665-93811368	0.2782	0.221598	-0.328176	1
XLOC_015062	ZNF502	chr3:44754134-44765323	1.61301	1.2849	-0.328107	0.669472
XLOC_014495	RFPL1	chr22:29833003-29838444	0.0131128	0.0104461	-0.328014	1
XLOC_022250	ZNF251	chr8:145946293-14598097	6.62229	5.27612	-0.327851	0.520462
XLOC_017429	IRGM	chr5:150226084-15022823	0.0117424	0.00935568	-0.327818	1
XLOC_008739	LOC100130015	chr16:90089007-90114191	3.55682	2.83394	-0.327778	0.910156
XLOC_020508	LOC649395	chr7:63894070-63895895	0.0183679	0.0146395	-0.327323	1
XLOC_018203	LY6G5B	chr6:31638727-31640227	3.2142	2.56185	-0.327274	0.815739
XLOC_015984	XRN1	chr3:142025448-14216685	1.46022	1.16386	-0.32727	0.532936
XLOC_008963	SUZ12P1	chr17:29036625-29097068	4.4475	3.54551	-0.327002	0.772259
XLOC_002833	C1QL3	chr10:16478941-16564004	0.379556	0.302612	-0.326843	0.981596
XLOC_012334	RPL31	chr2:101618690-10176784	5080.88	4051.28	-0.326702	0.510424
XLOC_001534	FOXD2-AS1	chr1:47897806-47900313	3.58925	2.86207	-0.326626	0.69673
XLOC_006938	TRIP11	chr14:92434242-92506403	0.952857	0.759896	-0.326458	0.637446
XLOC_023433	RRAGB	chrX:55744109-55785207	3.5767	2.85247	-0.326415	0.650855
XLOC_016717	RBM47	chr4:40425271-40631883	0.0298354	0.0238037	-0.325835	1
XLOC_000770	LMNA	chr1:156052368-15610988	89.3997	71.3283	-0.325795	0.482701
XLOC_017686	SMA4	chr5:69423288-69586004	0.508617	0.405833	-0.325691	0.847215
XLOC_010944	PPM1N	chr19:46001730-46005764	4.64233	3.70575	-0.325082	0.716439
XLOC_000670	PLEKHO1	chr1:150122169-15013182	25.4191	20.2915	-0.325036	0.495952
XLOC_010055	FASN	chr17:80036213-80056106	35.2242	28.119	-0.325022	0.441206
XLOC_007422	LOC145820	chr15:95976321-96051076	0.00692767	0.00553036	-0.324997	1
XLOC_008866	MGC12916	chr17:14204505-14249492	3.25554	2.59902	-0.324928	0.714291
XLOC_015486	CHRD	chr3:184097860-184107617	2.45318	1.95876	-0.324709	0.704733
XLOC_011913	ZNF432	chr19:52536676-52552073	1.27208	1.01574	-0.324654	0.725998
XLOC_001242	PLEKHG5, TNFRSF25	chr1:6521213-6580121	15.9962	12.7731	-0.324623	0.677615
XLOC_017634	SEPP1	chr5:42756919-42812024	0.00755489	0.00603283	-0.324575	1
XLOC_010799	LIN37	chr19:36239261-36245420	9.89364	7.90122	-0.324426	0.647944
XLOC_000965	RPS10P7	chr1:201489031-20148972	1.76498	1.40956	-0.324402	0.872117
XLOC_011038	CPT1C	chr19:50194364-50216988	5.08442	4.06173	-0.323987	0.63524
XLOC_002990	P4HA1	chr10:74766979-74856732	32.7213	26.144	-0.323748	0.459984
XLOC_011872	SYT3	chr19:51125233-51143092	0.0862277	0.068899	-0.323669	1
XLOC_014939	CRELD1	chr3:9975523-9987097	12.8026	10.2301	-0.323608	0.520462
XLOC_022460	HABP4	chr9:99212413-99253618	16.32	13.0411	-0.323575	0.45994
XLOC_011606	IGFLR1	chr19:36230150-36233351	3.90232	3.11889	-0.323302	0.790283
XLOC_021523	BNIP3L	chr8:26240522-26270644	49.1566	39.2928	-0.323118	0.453509
XLOC_005415	KANSL2	chr12:49046994-49076035	11.8159	9.44544	-0.323041	0.483683
XLOC_001597	DIRAS3	chr1:68167148-68698284	0.208032	0.166308	-0.322944	1
XLOC_000211	PIGV	chr1:27114453-27124894	5.48456	4.38494	-0.322821	0.603292
XLOC_016908	C4orf3	chr4:120217573-12022560	100.252	80.1522	-0.322818	0.455927
XLOC_000336	PTPRF	chr1:43996546-44089343	25.2438	20.1841	-0.322706	0.454392
XLOC_017449	LSM11	chr5:157170754-15718374	2.13126	1.70416	-0.322646	0.708265
XLOC_023027	KIF12	chr9:116853917-11686133	1.28225	1.02535	-0.322557	0.818284
XLOC_021727	NOV	chr8:120428551-12043667	3.71998	2.97557	-0.322133	0.624874
XLOC_005933	KLIF5	chr13:73633141-73651676	2.05938	1.64738	-0.322036	0.679982
XLOC_008949	PIPOX	chr17:27369917-27384236	0.0714716	0.0571758	-0.321964	1
XLOC_011653	SIRT2	chr19:39369194-39399534	41.9424	33.5544	-0.321905	0.618451
XLOC_008509	MAPK3	chr16:30125425-30134630	79.5461	63.6394	-0.321872	0.450569

XLOC_003714	NEU3	chr11:74699949-74718743	0.627176	0.501965	-0.321283	0.828395
XLOC_017635	LOC648987	chr5:43014830-43018913	1.52776	1.22277	-0.32126	0.771117
XLOC_013259	CCDC141	chr2:179694483-179914786	0.00167516	0.00134078	-0.321223	1
XLOC_013166	ZRANB3	chr2:135957573-136288806	0.592506	0.474317	-0.320977	0.781219
XLOC_000058	PHF13	chr1:6673755-6684093	6.14701	4.92122	-0.320871	0.548694
XLOC_007311	C15orf39	chr15:75494220-75504510	7.75752	6.21078	-0.32082	0.540474
XLOC_004501	CASP5	chr11:104864966-10489386	0.0228153	0.0182666	-0.320796	1
XLOC_013721	MOCS3	chr20:49575350-49578399	5.14213	4.11713	-0.320726	0.588286
XLOC_021806	LRRRC14	chr8:145743348-145754458	10.5601	8.45523	-0.320704	0.831797
XLOC_009087	RPL27	chr17:41150445-41154971	5548.84	4443.11	-0.320617	0.530238
XLOC_014160	CBR3	chr21:37504064-37528606	19.0702	15.2704	-0.320587	0.591954
XLOC_012308	FAHD2CP	chr2:96676298-96700727	5.90205	4.72632	-0.320499	0.749513
XLOC_018693	LOC100270746	chr6:26924771-26991753	3.57043	2.85951	-0.320327	0.830384
XLOC_001352	LOC100506963	chr1:24069855-24104787	3.10024	2.48353	-0.319988	0.908566
XLOC_002448	GLUD1P7	chr10:48954404-48958083	0.0361101	0.028928	-0.319935	1
XLOC_008349	RPS2	chr16:2012061-2014827	12673.8	10153.1	-0.319924	0.638545
XLOC_003584	DNAJC4	chr11:63997752-64001753	21.9201	17.561	-0.319874	0.575556
XLOC_021212	PPP1R35	chr7:100032911-100034094	80.4593	64.4657	-0.319729	0.526157
XLOC_008170	NOL3	chr16:67204399-67217883	20.793	16.6601	-0.319703	0.729809
XLOC_013099	LOC151009,LOC440894	chr2:111132685-111142113	4.43454	3.55325	-0.319642	0.617065
XLOC_008734	VPS9D1	chr16:89773540-89883065	2.6412	2.11635	-0.319611	0.962247
XLOC_001831	HRNR	chr1:152184551-152196672	0.00427704	0.00342718	-0.319588	1
XLOC_022530	LOC253039	chr9:123605319-123616657	2.42916	1.94675	-0.319388	0.638374
XLOC_022139	TMEM74	chr8:109795345-109799770	0.00894508	0.00716956	-0.31921	1
XLOC_016677	BOD1L1	chr4:13570365-13629328	0.739063	0.592431	-0.319105	0.639715
XLOC_006887	FAM161B	chr14:74399694-74429813	0.409943	0.328628	-0.318968	0.972601
XLOC_006927	FOXN3	chr14:89622515-90085494	3.5406	2.8384	-0.318915	0.539391
XLOC_015415	LEKR1	chr3:156544095-156763911	0.109774	0.0880078	-0.318827	1
XLOC_021370	LOC154761	chr7:143509060-143533810	1.91544	1.53575	-0.318735	0.74447
XLOC_009113	ACBD4	chr17:43209966-43221543	10.4083	8.34525	-0.318712	0.592192
XLOC_023923	ZMYM3	chrX:70430034-70948962	7.36046	5.90151	-0.31871	0.97314
XLOC_010523	CRB3	chr19:6464259-6481798	2.14016	1.71604	-0.318631	0.917325
XLOC_014089	ZNF512B	chr20:62571181-62601223	0.0343231	0.0275215	-0.31862	1
XLOC_004604	SIAE	chr11:124492741-12456468	7.29863	5.85455	-0.318066	0.821881
XLOC_002910	HNRNPA1P33	chr10:47096453-47151400	0.0388125	0.0311407	-0.317722	1
XLOC_007723	RASGRF1	chr15:79252288-79383215	0.00380906	0.00305624	-0.317675	1
XLOC_020492	LANCL2	chr7:55433140-55501435	2.73415	2.19379	-0.317667	0.618232
XLOC_011443	ZNF878	chr19:12154619-12163782	0.398564	0.319812	-0.317586	0.8877
XLOC_023375	HDAC6	chrX:48660486-48683380	2.32499	1.86574	-0.317476	0.650075
XLOC_013258	TTN	chr2:179059207-179672150	0.0173179	0.0138981	-0.317383	1
XLOC_013071	LONRF2	chr2:100889752-100939198	0.00124737	0.00100109	-0.317325	1
XLOC_000027	MIB2	chr1:1550794-1556590	10.4397	8.37875	-0.317273	0.602446
XLOC_002370	CACNB2	chr10:18429605-18830688	0.106169	0.0852165	-0.31716	1
XLOC_010463	IZUMO4	chr19:2096867-2099583	0.144679	0.116153	-0.316822	1
XLOC_017344	REEP2	chr5:137774689-137782658	47.0346	37.7715	-0.316425	0.470491
XLOC_021570	AP3M2	chr8:42010463-42028701	5.02487	4.03571	-0.316264	0.549068
XLOC_014771	MORC2	chr22:31318294-31364187	4.22528	3.39376	-0.31616	0.597867
XLOC_021367	FAM131B	chr7:143050492-143059840	5.59684	4.49618	-0.315912	0.545876
XLOC_015784	ASB14	chr3:57261764-57326710	0.246541	0.19812	-0.315453	1
XLOC_013695	PCIF1	chr20:44563316-44576662	12.9887	10.4381	-0.315397	0.541522
XLOC_006127	DLEU2	chr13:50556687-50699677	0.220176	0.176946	-0.315347	1
XLOC_004686	RPL13P5	chr12:6993144-6993768	1.19251	0.95842	-0.315269	0.912776
XLOC_021376	OR2A7	chr7:143955788-143983096	0.75712	0.608515	-0.315229	0.90608
XLOC_009024	LINC00672	chr17:37081420-37085637	0.15312	0.123081	-0.315055	1
XLOC_008501	SEZ6L2	chr16:29882479-29910585	28.2412	22.7031	-0.314912	0.500097
XLOC_014485	MIAT	chr22:27053445-27072440	0.0417283	0.0335486	-0.314775	1
XLOC_018208	HSPA1A	chr6:31783290-31785719	3.18522	2.56087	-0.314758	0.739331
XLOC_015309	CHST13	chr3:126243130-126262134	0.362957	0.291828	-0.314679	0.950929
XLOC_016399	LOC100505875	chr4:79892901-80229953	0.281924	0.226685	-0.31462	1
XLOC_004430	KCTD21	chr11:77882297-77899664	1.09554	0.880987	-0.314456	0.759573
XLOC_013278	OSGEPL1	chr2:190611385-190627924	2.1097	1.69655	-0.314433	0.718723
XLOC_021220	GIGYF1	chr7:100277129-100286870	21.299	17.13	-0.314261	0.463074
XLOC_010770	ZNF302	chr19:35168566-35177302	4.16084	3.34713	-0.31395	0.590843
XLOC_012097	ATRAID	chr2:27422454-27440046	114.469	92.0844	-0.313934	0.651901
XLOC_021689	MATN2	chr8:98881310-99048946	0.0120379	0.00968537	-0.313702	1
XLOC_004764	SLCO1B3	chr12:20963637-21069843	8.21807	6.61267	-0.313566	0.516224
XLOC_021162	SAMD9L	chr7:92759367-92777680	0.0756863	0.0609025	-0.313531	1
XLOC_016183	NOP14-AS1	chr4:2937277-2965118	3.03949	2.44589	-0.31347	0.947716
XLOC_011574	ZNF91	chr19:23540497-23578269	0.822542	0.661936	-0.313399	0.711382
XLOC_005736	RPLP0	chr12:120634502-120639017	7446.5	5992.53	-0.313397	0.671659
XLOC_020539	VPS37D	chr7:73082173-73086440	21.7381	17.5003	-0.312848	0.591479
XLOC_013063	KIAA1211L	chr2:99410308-99552684	0.232868	0.187474	-0.312817	1
XLOC_007151	C15orf62	chr15:41060066-41106767	0.364119	0.293145	-0.312794	0.944284
XLOC_014433	BCRP2	chr22:21457304-21476575	3.28719	2.64683	-0.31259	0.694071
XLOC_009481	SLC25A35	chr17:8191081-8198170	1.83402	1.4768	-0.312533	0.963457
XLOC_018348	PAQR8	chr6:52226925-52272575	1.81418	1.46083	-0.312526	0.654103
XLOC_021634	STAU2-AS1	chr8:74332308-74659943	0.0298953	0.0240747	-0.312402	1
XLOC_008825	SNORD10	chr17:7465308-7482324	13.518	10.8866	-0.312323	0.989098
XLOC_015701	DALRD3	chr3:49044636-49060926	39.1166	31.5079	-0.312069	0.872554

XLOC_017891	TIGD6	chr5:149372685-149432704	1.06515	0.858246	-0.311595	0.973348
XLOC_000959	NR5A2	chr1:199996729-200146550	0.0276364	0.02227	-0.311472	1
XLOC_002707	FAM160B1	chr10:116581502-116659581	2.19309	1.76728	-0.311432	0.607411
XLOC_014601	LOC100132273	chr22:42486936-42521354	1.24514	1.0034	-0.311415	0.842782
XLOC_022740	SLC24A2	chr9:19507449-19787017	0.00141875	0.00114331	-0.311398	1
XLOC_009115	HEXIM2	chr17:43238263-43247406	5.89286	4.74941	-0.311218	0.726892
XLOC_018504	RPS12	chr6:133135707-133138703	9380.31	7560.98	-0.311062	0.582965
XLOC_000059	THAP3	chr1:6684924-6761966	25.8691	20.8528	-0.310988	0.865626
XLOC_020984	HOXA13	chr7:27236498-27239725	0.751407	0.605717	-0.31095	0.850795
XLOC_007672	CELF6	chr15:72577067-72612525	0.658876	0.531183	-0.310798	0.832722
XLOC_022340	TMEM8B	chr9:35829221-35854844	5.1629	4.16289	-0.310594	0.69673
XLOC_016808	CCNI	chr4:77969176-77997125	59.3414	47.8478	-0.310586	0.471178
XLOC_004418	WNT11	chr11:75897369-75917574	8.31874	6.7085	-0.310375	0.656683
XLOC_017104	SPEF2	chr5:35617988-35814713	0.49418	0.398532	-0.310342	0.830132
XLOC_015239	LOC344595	chr3:106959538-107045811	0.780407	0.62937	-0.310318	0.78079
XLOC_004716	LOC100499405	chr12:9392598-9395645	0.00750812	0.00605542	-0.310224	1
XLOC_006680	CCNB1IP1	chr14:20779526-20801471	168.32	135.762	-0.310129	0.50455
XLOC_010918	ZNF226	chr19:44669214-44681838	4.90973	3.96052	-0.309953	0.821849
XLOC_016471	ALPK1	chr4:113218498-113363764	1.66151	1.34033	-0.309909	0.640612
XLOC_002276	LOC731275	chr1:243219615-243265046	0.400678	0.323238	-0.309846	0.846554
XLOC_006892	NPC2	chr14:74946642-74960084	291.191	234.918	-0.309811	0.483354
XLOC_016622	LOC100129917	chr4:773936-775636	0.311099	0.251	-0.309684	1
XLOC_015292	FAM162A	chr3:122103022-122128961	347.666	280.527	-0.309564	0.496301
XLOC_006792	RFS29	chr14:50044041-50053094	11097.9	8954.83	-0.309548	0.551547
XLOC_010577	PDE4A	chr19:10527448-10580307	1.25203	1.01032	-0.309463	0.752981
XLOC_006198	ZIC5	chr13:100615274-10062411	1.56358	1.2619	-0.309256	0.707294
XLOC_022576	CDK9	chr9:130548304-130553051	50.1716	40.496	-0.309093	0.481975
XLOC_010457	REEP6	chr19:1491164-1497924	20.3642	16.4373	-0.309055	0.623055
XLOC_008814	NLGN2	chr17:7311501-7323179	23.7189	19.1463	-0.308972	0.487108
XLOC_005845	FRY	chr13:32605436-32870776	0.00315763	0.00254911	-0.308851	1
XLOC_020817	FAM115C	chr7:143318044-143427171	1.77186	1.43098	-0.308257	0.718723
XLOC_011372	PCP2	chr19:7694670-7698634	0.882166	0.712533	-0.308093	0.989344
XLOC_023466	OGT	chrX:70430034-70948962	15.5608	12.5711	-0.307801	0.927627
XLOC_005125	FBXW8	chr12:117348760-11746895	1.6338	1.31994	-0.307763	0.682587
XLOC_006437	ACOT6	chr14:74083547-74086592	0.0200684	0.0162166	-0.307453	1
XLOC_015057	TCAIM	chr3:44379610-44450940	6.83546	5.52363	-0.307422	0.606953
XLOC_008902	FBXW10	chr17:18647325-18682662	0.0652474	0.0527254	-0.307422	1
XLOC_010759	CEBPA-AS1	chr19:33793762-33795963	2.9633	2.39492	-0.307227	0.760099
XLOC_015771	ACTR8	chr3:53901093-53916229	3.56933	2.88507	-0.307049	0.609543
XLOC_004334	C11orf68	chr11:65684282-65686531	63.0665	50.9901	-0.306658	0.488842
XLOC_018940	DST	chr6:56137688-56615138	1.21876	0.985613	-0.306315	0.575728
XLOC_005252	SPSB2	chr12:6976583-6982521	10.1926	8.24328	-0.306232	0.981197
XLOC_014404	DGCR5	chr22:18958010-18982142	0.114289	0.0924375	-0.306139	1
XLOC_001707	DRAM2	chr1:111659953-111727724	23.0973	18.6841	-0.305912	0.67683
XLOC_003438	LRP4-AS1	chr11:46867961-46940173	0.34611	0.280016	-0.305724	1
XLOC_023490	PGK1	chrX:77359665-77382324	821.017	664.39	-0.305382	0.589166
XLOC_014772	SELM	chr22:31500762-31503551	404.751	327.538	-0.305374	0.495922
XLOC_017252	C5orf30	chr5:102594441-102614361	4.81785	3.89909	-0.305251	0.603368
XLOC_016028	LOC730091	chr3:156465131-156534851	0.00511823	0.00414226	-0.305227	1
XLOC_006480	SPATA7	chr14:88851987-88904804	3.89545	3.15293	-0.305097	0.67146
XLOC_010946	LOC100287177	chr19:46112657-46148775	23.6138	19.1136	-0.305033	0.851815
XLOC_012186	EML6	chr2:54952148-55199156	0.515769	0.417514	-0.3049	0.747687
XLOC_000581	PROK1	chr1:110993787-110999976	0.0160224	0.0129713	-0.304773	1
XLOC_000053	RNF207	chr1:6266188-6296044	1.8287	1.48054	-0.30469	0.950929
XLOC_022869	PGM5-AS1	chr9:70970108-71145977	0.271658	0.21995	-0.30462	1
XLOC_002908	SYT15	chr10:46955443-46970601	1.01882	0.824891	-0.304619	0.869168
XLOC_018373	C6orf57	chr6:71276624-71298606	14.8006	11.9852	-0.3044	0.724791
XLOC_010609	ZNF136	chr19:12273871-12300064	1.04576	0.846838	-0.304396	0.760508
XLOC_022594	LOC100506100	chr9:131486740-131534211	7.29197	5.9055	-0.30425	0.979701
XLOC_010443	ABCA7	chr19:1040101-1065570	2.36366	1.91434	-0.304173	0.68423
XLOC_020662	MUC12	chr7:100612903-100662230	0.286231	0.231828	-0.304113	1
XLOC_008077	TGFB11	chr16:31483475-31489281	58.0707	47.0345	-0.304093	0.505095
XLOC_007736	AGSK1,LOC727849	chr15:82753446-82798352	0.279303	0.22624	-0.303972	1
XLOC_011304	ZNF77	chr19:2933215-2944969	2.54437	2.06104	-0.303937	0.721145
XLOC_013660	LPIN3	chr20:39969559-39995498	3.7165	3.01091	-0.303746	0.751467
XLOC_006031	SACS	chr13:23902964-24007841	0.782883	0.634533	-0.3031	0.615252
XLOC_015748	RPL29	chr3:52027643-52029958	5666.63	4592.88	-0.303092	0.591479
XLOC_014353	SIK1	chr21:44834397-44847002	12.3346	9.99743	-0.303085	0.538134
XLOC_020706	CAV2	chr7:116139654-116148591	3.20456	2.59739	-0.30306	0.649619
XLOC_020958	TOMM7	chr7:22852250-22862471	365.265	296.065	-0.303027	0.517422
XLOC_012942	SERTAD2	chr2:64858754-64881046	6.11818	4.95947	-0.302917	0.535039
XLOC_017042	FRG2	chr4:190945522-190948411	0.00846454	0.00686218	-0.302764	1
XLOC_000018	PUSL1	chr1:1243993-1260067	43.1423	34.9759	-0.302743	0.910376
XLOC_008174	SLC9A5	chr16:67282854-67306094	4.97018	4.02939	-0.302736	0.624281
XLOC_004263	EML3	chr11:62369690-62382592	16.9367	13.7309	-0.302729	0.549171
XLOC_018755	HLA-B	chr6:31321648-31324989	453.523	367.701	-0.302642	0.520659
XLOC_006771	MBIP	chr14:36767763-36789882	5.69575	4.61824	-0.302543	0.651749
XLOC_017351	CXXC5	chr5:139028300-139062680	4.35917	3.53514	-0.302285	0.792593
XLOC_014720	LOC284889	chr22:24235896-24241117	2.01967	1.63794	-0.302236	0.987693

XLOC_015981	NMNAT3	chr3:139279022-139396888	2.79234	2.26467	-0.302171	0.744728
XLOC_008779	PLD2	chr17:4710395-4726727	11.1678	9.05861	-0.301981	0.544165
XLOC_023451	IGBP1	chrX:69353317-69386173	71.4472	57.9543	-0.301961	0.491654
XLOC_009988	PRPSAP1	chr17:74306867-74350230	26.2886	21.3241	-0.30195	0.511715
XLOC_018367	PHF3	chr6:64356430-64424405	5.54743	4.50063	-0.301692	0.525257
XLOC_003941	C11orf35	chr11:537521-560779	2.25711	1.8312	-0.301689	0.909016
XLOC_003333	LOC729013	chr11:10879763-10900823	6.80736	5.52341	-0.301536	0.721145
XLOC_011075	LINC00085	chr19:52196592-52208443	0.45285	0.36746	-0.301447	0.903682
XLOC_010487	CACTIN-AS1	chr19:3607244-3626813	0.182664	0.148222	-0.301432	1
XLOC_008531	STX1B	chr16:31000576-31021829	0.54063	0.438781	-0.301141	0.825067
XLOC_013769	DPH3P1	chr20:61448413-61493115	1.00384	0.814945	-0.300755	0.984917
XLOC_001188	C1orf170	chr1:910578-917473	0.990052	0.803778	-0.300708	0.827857
XLOC_016426	HERC3	chr4:89513573-89629693	2.82456	2.29325	-0.300631	0.691839
XLOC_007716	CIB2	chr15:78396947-78423877	22.665	18.4045	-0.300409	0.563967
XLOC_004849	DAZAP2	chr12:51632507-51664202	34.6189	28.1127	-0.30034	0.908531
XLOC_000388	CDKN2C	chr1:51434366-51440309	15.4569	12.5526	-0.300269	0.624337
XLOC_020393	LHLH7	chr7:23145352-23215038	12.128	9.8506	-0.300059	0.75896
XLOC_012507	GAD1	chr2:171673199-171717655	10.3727	8.42618	-0.299843	0.759668
XLOC_005449	CSRNP2	chr12:51454987-51477454	5.86752	4.76653	-0.299811	0.563736
XLOC_022325	GALT	chr9:34646585-34650595	13.7143	11.1418	-0.299708	0.637163
XLOC_023337	GPR34	chrX:41374188-41782287	0.00892278	0.00724914	-0.299682	1
XLOC_010504	LOC100131094	chr19:4675243-4723855	0.273866	0.222573	-0.299193	1
XLOC_017462	HMMR	chr5:162887516-162918955	1.67411	1.36061	-0.299135	0.728767
XLOC_006664	TEX22	chr14:105864919-10588015	0.283898	0.230781	-0.29885	1
XLOC_015499	EIF4A2	chr3:186501360-186524484	158.076	128.501	-0.298841	0.609835
XLOC_020395	GFNMB	chr7:23286315-23314729	0.193508	0.157324	-0.298652	1
XLOC_004323	LTBP3	chr11:65292547-65325699	8.53861	6.94238	-0.298569	0.922312
XLOC_012546	DUSP19	chr2:183943286-183964722	0.472335	0.384222	-0.297872	0.806163
XLOC_010710	SLC25A42	chr19:19174802-19223841	4.06145	3.30433	-0.297636	0.690873
XLOC_006929	NRDE2	chr14:90744397-90798481	1.99114	1.62014	-0.297475	0.69426
XLOC_014410	GP1BB,SEPT5	chr22:19701986-19712297	9.44178	7.68288	-0.297411	0.819258
XLOC_006063	N4BP2L1	chr13:32974859-33002315	0.636709	0.518162	-0.297232	0.825012
XLOC_007014	GOLGA8EP	chr15:23435069-23448423	0.00292732	0.00238269	-0.296987	1
XLOC_009507	ZNF18	chr17:11880761-11900689	1.94581	1.5838	-0.296979	0.74078
XLOC_008443	RPS15A	chr16:18794276-18801656	4912.55	3998.79	-0.296907	0.580086
XLOC_005897	CTAGE10P	chr13:50464544-50467516	0.00542549	0.00441639	-0.296884	1
XLOC_005802	ZMYM2	chr13:20532809-20665968	2.0374	1.6585	-0.296853	0.575728
XLOC_008895	SMCR7	chr17:18163847-18169095	22.5179	18.3314	-0.29676	0.544165
XLOC_016217	CPZ	chr4:8594386-8621488	26.5998	21.6553	-0.296696	0.545876
XLOC_023460	MED12	chrX:70338405-70362304	3.37324	2.74627	-0.29666	0.595117
XLOC_014933	BRPF1	chr3:9773433-9789699	6.49882	5.29092	-0.296659	0.57212
XLOC_023461	NLGN3	chrX:70364680-70391051	0.854073	0.695351	-0.296619	0.809695
XLOC_003837	TAGLN	chr11:117049938-11707555	61.5237	50.0938	-0.29651	0.632842
XLOC_004443	CREBZF	chr11:85368607-85376182	5.86325	4.77463	-0.296313	0.572795
XLOC_002488	STOX1	chr10:70587293-70655209	2.54085	2.06945	-0.296065	0.907929
XLOC_021351	NDUFB2-AS1	chr7:140395135-140406444	1.49231	1.21551	-0.295985	0.870747
XLOC_014175	SH3BGR	chr21:40817796-40887433	2.88012	2.34646	-0.295641	0.806008
XLOC_013757	SS18L1	chr20:60718821-60757566	2.80193	2.28278	-0.295631	0.657573
XLOC_009068	STAT5A	chr17:40439564-40463960	8.61672	7.02028	-0.295611	0.563967
XLOC_000656	NBPF16	chr1:148739441-148758311	5.51358	4.49213	-0.295588	0.578272
XLOC_009461	PLSCR3,TMEM256	chr17:7284292-7307450	285.597	232.692	-0.29556	0.73642
XLOC_022438	FGD3	chr9:95709600-95798518	4.23976	3.45457	-0.295477	0.656145
XLOC_006122	CAB39L	chr13:49882785-50018221	3.3149	2.70188	-0.295005	0.648246
XLOC_017263	EPBA1L4A-AS1	chr5:111496222-111498198	80.9144	65.9554	-0.294906	0.516824
XLOC_013506	HSPA12B	chr20:3713316-3733758	0.183699	0.149766	-0.294628	1
XLOC_022888	C9orf41	chr9:77597872-77643310	0.932771	0.760533	-0.294513	0.829595
XLOC_018691	ZNF322	chr6:26634610-26659980	3.55959	2.90295	-0.294193	0.593618
XLOC_008892	MYO15A	chr17:18012019-18083116	0.0198979	0.0162274	-0.294183	1
XLOC_021579	HGSNAT	chr8:42995591-43057970	5.9149	4.82391	-0.29415	0.571112
XLOC_021171	PON3	chr7:94989183-95025687	0.978286	0.797895	-0.294057	0.866497
XLOC_018123	PRSS16	chr6:27215501-27224399	2.92175	2.38328	-0.293884	0.728031
XLOC_005824	RPL21	chr13:27825691-27830702	4141.34	3378.87	-0.293559	0.59338
XLOC_022644	LINC00094	chr9:136890560-136933141	2.52135	2.0574	-0.293376	0.889711
XLOC_018247	ITPR3	chr6:33589155-33664348	42.1889	34.4291	-0.293232	0.535039
XLOC_002090	ASPM	chr1:197053256-197115824	1.9173	1.56484	-0.293063	0.664776
XLOC_016850	STPG2	chr4:98480024-99064391	0.0187973	0.0153427	-0.292974	1
XLOC_011927	ZNF347	chr19:53641956-53662322	0.0126989	0.0103652	-0.292954	1
XLOC_018978	KIAA1009	chr6:84833959-84937335	0.309299	0.252465	-0.292918	1
XLOC_014226	YBEY	chr21:47706266-47717665	21.6159	17.6446	-0.292864	0.620336
XLOC_014166	TTC3	chr21:38445570-38575408	2.73169	2.22988	-0.292832	0.595511
XLOC_023301	ZFX	chrX:24164341-24234372	2.17698	1.77725	-0.292681	0.618166
XLOC_016205	BLOC1S4	chr4:6717841-6719387	25.0785	20.4759	-0.292525	0.579501
XLOC_000548	PRMT6	chr1:107599266-107601911	7.04682	5.75371	-0.29248	0.622576
XLOC_008877	TRPV2	chr17:16318855-16340317	0.438537	0.358106	-0.292313	0.906895
XLOC_021809	TMED10P1	chr8:146198974-146231432	0.161903	0.132212	-0.29227	1
XLOC_006440	PTGR2	chr14:74318533-74352168	2.4601	2.00898	-0.292257	0.716012
XLOC_005636	NTN4	chr12:96043030-96184536	0.499966	0.408293	-0.292223	0.842724
XLOC_011903	FLJ30403	chr19:52095035-52097633	0.823397	0.672454	-0.292152	0.881073
XLOC_017033	CCDC110	chr4:186350544-186392912	0.0956745	0.0781374	-0.292122	1

XLOC_013922	C2orf112	chr20:31030861-31112785	1.45591	1.18904	-0.292121	0.701805
XLOC_007733	MEX3B	chr15:82334118-82338484	1.30789	1.06823	-0.292014	0.813314
XLOC_005584	PTPRR	chr12:71031852-71314584	0.363473	0.296931	-0.291718	0.865541
XLOC_003171	CUZD1,FAM24B	chr10:124591670-1246582	9.62319	7.86168	-0.291677	0.813829
XLOC_009960	USH1G	chr17:72912175-72919351	0.537125	0.438855	-0.291512	0.877493
XLOC_011914	ZNF841	chr19:52567718-52599018	2.01644	1.64753	-0.291499	0.690353
XLOC_003287	TRIM34,TRIM6,TRIM6-TRIM	chr11:5617330-5665625	0.435943	0.35619	-0.291492	0.869308
XLOC_017897	RPS14	chr5:149823791-14982931	4764.69	3893.13	-0.291449	0.604919
XLOC_017234	NR2F1	chr5:92919042-93447404	3.90559	3.19126	-0.291416	0.890999
XLOC_015550	EGOT	chr3:4535031-4889524	0.0121778	0.0099511	-0.291329	1
XLOC_023204	C9orf37	chr9:140500095-14051330	6.19443	5.0621	-0.291234	0.965328
XLOC_007441	HERC2P3	chr15:20613649-20711433	0.629689	0.514605	-0.291175	0.825012
XLOC_011742	ZNF229	chr19:44930425-44952665	0.00318401	0.00260225	-0.291084	1
XLOC_005411	ASB8	chr12:48541571-48551377	6.07	4.96096	-0.291076	0.640612
XLOC_010551	ZNF28	chr19:8386383-8387280	7383.64	6034.64	-0.291065	0.585652
XLOC_001806	ARNT	chr1:150782180-15084924	5.59241	4.57094	-0.290978	0.585568
XLOC_006504	OTUB2	chr14:94492723-94515276	1.18183	0.96597	-0.290966	0.773848
XLOC_012495	NOSTRIN	chr2:169643048-16972184	0.0311109	0.0254291	-0.290938	1
XLOC_011186	RPL28	chr19:55897299-55903451	2089.46	1707.89	-0.290917	0.778996
XLOC_015812	LMOD3	chr3:69156038-69171746	0.00367178	0.00300198	-0.290567	1
XLOC_017774	FEM1C	chr5:114856607-11488059	3.19012	2.60826	-0.290525	0.601451
XLOC_004476	SESN3	chr11:94898676-94965705	0.132029	0.107955	-0.290419	1
XLOC_005667	ALDH1L2	chr12:105413561-1054783	0.00374464	0.00306341	-0.289689	1
XLOC_006710	HAUS4	chr14:23415436-23426351	43.2952	35.4199	-0.289648	0.540351
XLOC_020497	SNORA15	chr7:56119377-56131682	2.28433	1.86916	-0.289378	1
XLOC_000996	NFASC	chr1:204797781-20499195	0.00187265	0.00153234	-0.289345	1
XLOC_004848	LETMD1	chr12:51442081-51454207	44.2016	36.171	-0.289264	0.536951
XLOC_003425	DKFz779M0652	chr11:45792982-45793909	1.18965	0.973528	-0.289237	0.936493
XLOC_016268	RBPJ	chr4:26321331-26436752	8.46129	6.92418	-0.289235	0.550535
XLOC_012977	RAB11FIP5	chr2:73300509-73340146	22.6269	18.5166	-0.28922	0.542138
XLOC_020699	ZNF277	chr7:111846642-11198398	11.8202	9.67375	-0.289112	0.561012
XLOC_018577	SYTL3	chr6:159071045-15918590	0.510171	0.41753	-0.2891	0.881802
XLOC_008964	ATAD5	chr17:29159022-2922295	0.626976	0.513189	-0.288919	0.766669
XLOC_001406	SDC3	chr1:31342312-31381480	3.48209	2.85022	-0.288881	0.640612
XLOC_000196	EXTL1	chr1:26348270-26362954	0.0527365	0.0431671	-0.288869	1
XLOC_018292	PRICKLE4	chr6:41748499-41755110	2.10932	1.72676	-0.28871	0.83059
XLOC_015339	NUDT16P1	chr3:130745693-13110031	3.15482	2.58276	-0.288644	0.78908
XLOC_011665	RPS16	chr19:39923846-39926618	5870.63	4806.17	-0.288628	0.602446
XLOC_012253	INO80B,WBP1	chr2:74682149-74688018	75.594	61.8878	-0.288616	0.550048
XLOC_009261	RPL38	chr17:72199794-72206019	4849.79	3971.81	-0.288123	0.579174
XLOC_016445	LOC256880	chr4:100871635-10087362	0.101113	0.0828294	-0.287751	1
XLOC_003958	DUSP8	chr11:14906684-1785501	5.74857	4.71085	-0.287215	0.974335
XLOC_023129	RALGDS	chr9:135973106-13602460	50.2504	41.185	-0.287016	0.54837
XLOC_003330	AMPD3	chr11:10471867-10529126	3.41036	2.79542	-0.286859	0.671358
XLOC_003326	WEE1	chr11:9595227-9611313	28.1045	23.0372	-0.286831	0.549946
XLOC_007111	GOLGA8T	chr15:30427989-30439395	0.164432	0.134794	-0.286733	1
XLOC_010412	ZADH2	chr18:72909277-72921281	5.72307	4.69223	-0.286517	0.579009
XLOC_002260	LYST	chr1:235824344-23603022	0.265308	0.217522	-0.28651	1
XLOC_006898	MLH3	chr14:75480466-75518235	1.21545	0.996599	-0.286402	0.685308
XLOC_002407	ZNF33A	chr10:38299577-38348995	2.70385	2.21722	-0.286265	0.61071
XLOC_004396	STARD10	chr11:72465773-72504750	31.2224	25.6044	-0.286191	0.557674
XLOC_018110	BTN3A1	chr6:26402464-26415444	1.37611	1.12861	-0.286058	0.764271
XLOC_002509	ANAPC16	chr10:73855789-73995618	24.3589	19.9782	-0.286022	0.652159
XLOC_021186	TMEM130	chr7:98444110-98467673	0.00789391	0.00647437	-0.286001	1
XLOC_018381	CD109	chr6:74405507-74538041	1.21834	0.999255	-0.285988	0.664211
XLOC_009174	TOB1-AS1	chr17:48939586-48945732	0.893626	0.732947	-0.285962	0.979701
XLOC_003317	RPL27A	chr11:8703994-8711419	435.928	357.56	-0.285906	0.601838
XLOC_016913	PRDM5	chr4:121615928-12184401	1.39277	1.14249	-0.285775	0.797015
XLOC_006727	AP1G2,JPH4	chr14:23980968-24048009	15.4293	12.6586	-0.285552	0.688363
XLOC_018140	ZSCAN9	chr6:28193028-28201264	6.54756	5.37181	-0.285548	0.678791
XLOC_011364	EMR4P	chr19:6952510-6990857	0.00636579	0.00522305	-0.285448	1
XLOC_006344	KLHDC2	chr14:50234786-50249856	20.8043	17.0701	-0.285407	0.581565
XLOC_006275	OXA1L	chr14:23235730-23240998	176.3	144.658	-0.285385	0.550445
XLOC_012408	PTPN4	chr2:120517206-12074247	0.598188	0.490886	-0.28521	0.721145
XLOC_015669	ALS2CL	chr3:46710484-46735194	6.60982	5.42424	-0.285189	0.629556
XLOC_011101	ZNF331	chr19:54024176-54083523	0.437113	0.358715	-0.285169	0.830321
XLOC_009169	SPATA20	chr17:48624449-48633213	34.0795	27.9702	-0.285013	0.545588
XLOC_004336	CATSPPER1	chr11:65784222-65793988	1.71341	1.40641	-0.284858	0.807124
XLOC_011440	ACP5	chr19:11685474-11689801	0.193704	0.159019	-0.284656	1
XLOC_011184	SUV420H2	chr19:55851220-55859489	8.65875	7.11045	-0.284219	0.691693
XLOC_001957	TNNT1	chr19:55644160-55660606	163.755	134.489	-0.284056	0.548189
XLOC_004869	PFDN5	chr12:53689234-53693234	513.732	422.021	-0.283703	0.564578
XLOC_005639	LTA4H	chr12:96394530-96437298	97.9962	80.5024	-0.283694	0.563372
XLOC_012005	ZNF329	chr19:58637694-58662148	3.19728	2.62686	-0.283504	0.678263
XLOC_000604	DCLRE1B	chr1:114447914-11445670	3.07501	2.52645	-0.28348	0.674684
XLOC_010091	CLUL1	chr18:596997-712662	0.0294342	0.0241835	-0.283469	1
XLOC_010520	ACSBG2	chr19:6135709-6193112	0.0276754	0.0227398	-0.283389	1
XLOC_000195	MTFR1L	chr1:26146396-26159433	24.714	20.3087	-0.283228	0.589808
XLOC_002349	LOC283070	chr10:12875132-12877545	8.5621	7.03692	-0.283021	0.637932

XLOC_011753	PPP1R13L	chr19:45882891-45927177	3.55694	2.92388	-0.282754	0.988154
XLOC_015925	KLF15	chr3:126061477-126076236	5.10108	4.19321	-0.282748	0.72508
XLOC_001447	EVA1B	chr1:36787631-36789755	28.0344	23.0459	-0.282692	0.682297
XLOC_007148	CASC5	chr15:40886446-40954881	0.423668	0.348284	-0.28267	0.78079
XLOC_005374	DENND5B	chr12:31535156-31768285	0.588758	0.484048	-0.282524	0.741667
XLOC_011628	ZNF790	chr19:37288451-37407193	0.500327	0.411347	-0.282516	0.914952
XLOC_004676	GAPDH	chr12:6643584-6647537	8492.32	6982.13	-0.28249	0.782225
XLOC_002014	METTL18	chr1:169761669-16976406	4.93681	4.05896	-0.28247	0.714805
XLOC_008273	FOXF1	chr16:86544132-86548070	2.3323	1.91769	-0.282383	0.814959
XLOC_000267	ZNF362	chr1:33722173-33766320	2.45384	2.0177	-0.282329	0.763481
XLOC_010014	CBX8	chr17:77768175-77770915	14.951	12.2937	-0.282315	0.672595
XLOC_018152	OR2H1	chr6:29426229-29432099	0.00558048	0.00458901	-0.282206	1
XLOC_014513	RNF185	chr22:31556137-31603005	21.5608	17.7304	-0.282184	0.570108
XLOC_015138	PHF7	chr3:52444526-52457657	1.68186	1.3832	-0.282045	0.812655
XLOC_010038	OXLD1	chr17:79632065-79633618	48.7582	40.1008	-0.282013	0.660246
XLOC_010908	ZNF283	chr19:44331472-44353050	2.02506	1.6658	-0.281754	0.763481
XLOC_022489	NIPSNAP3A	chr9:107509968-10752240	6.06629	4.99019	-0.28172	0.704155
XLOC_007871	RAB26	chr16:2198650-2204141	10.5853	8.70821	-0.28161	0.70343
XLOC_012246	ACTG2	chr2:74120092-74146780	0.0895275	0.0736547	-0.281554	1
XLOC_005210	ZNF268	chr12:133757994-1337836	1.74871	1.43871	-0.281513	0.689157
XLOC_022851	LOC286297	chr9:42844369-42893137	0.00733525	0.00603532	-0.281418	1
XLOC_011161	RPS9	chr19:54704725-54711515	4463.66	3673.64	-0.281015	0.621939
XLOC_009477	C17orf59	chr17:8091650-8093564	14.6612	12.0681	-0.280806	0.662283
XLOC_013195	BAZ2B	chr2:160175489-16047305	0.916265	0.754255	-0.280714	0.710179
XLOC_021080	ZNF733P	chr7:62751669-62764434	0.0154872	0.0127492	-0.280669	1
XLOC_000021	LOC148413	chr1:1334909-1342693	10.0889	8.3059	-0.280553	0.933023
XLOC_004959	MON2	chr12:62860596-62991363	1.18895	0.978897	-0.280457	0.664776
XLOC_003421	TSPAN18	chr11:44785975-44972857	0.0048232	0.00397116	-0.280431	1
XLOC_013293	PGAP1	chr2:197697727-19779145	0.896973	0.738525	-0.280418	0.678263
XLOC_000493	LOC339524	chr1:87595447-87634886	0.0217729	0.0179284	-0.280286	1
XLOC_021644	ZFHX4	chr8:77523113-77779521	0.00708987	0.00583937	-0.279947	1
XLOC_004741	GPRC5A	chr12:13043955-13066600	11.044	9.0965	-0.279881	0.664459
XLOC_016073	GNB4	chr3:179113875-17916937	0.0591782	0.0487477	-0.27973	1
XLOC_009471	ALOX12B	chr17:7975953-7991021	2.83433	2.33485	-0.279678	0.788364
XLOC_023455	RAB41	chrX:69502021-69504852	0.0189121	0.0155796	-0.279656	1
XLOC_022711	RFX3	chr9:3224646-3525983	0.499577	0.411602	-0.279456	0.869283
XLOC_001177	PGBD2	chr1:249200441-24921334	1.69312	1.39498	-0.279441	0.805942
XLOC_007551	SERINC4	chr15:44038589-44094769	1.42897	1.17741	-0.279355	0.989841
XLOC_021987	PCMTD1	chr8:52730139-52811735	2.84934	2.34789	-0.279266	0.665442
XLOC_016460	RPL34	chr4:109541721-10955163	1111.54	915.939	-0.279243	0.590286
XLOC_016192	ZBTB49	chr4:4291923-4323513	1.74046	1.43424	-0.279183	0.781722
XLOC_013634	MYL9	chr20:35169886-35178226	85.7045	70.6271	-0.279149	0.557803
XLOC_003658	LOC100130987	chr11:67085309-67159158	0.874966	0.721138	-0.278953	0.98922
XLOC_016698	CCDC149	chr4:24807738-24981826	1.2978	1.06979	-0.27875	0.778704
XLOC_015099	WDR6	chr3:49044636-49060926	28.8267	23.7681	-0.278377	0.782765
XLOC_013963	KIAA1755	chr20:36838906-36889174	1.59561	1.31577	-0.278204	0.726892
XLOC_007648	RPL4	chr15:66791652-66797193	3601.26	2969.88	-0.278098	0.674862
XLOC_010205	POLI	chr18:51795848-51824604	2.5681	2.11798	-0.278015	0.640556
XLOC_000376	TEX38	chr1:47137496-47139256	0.0513288	0.0423331	-0.277982	1
XLOC_007218	TMOD2	chr15:52043757-52108558	0.765287	0.631227	-0.277841	0.724424
XLOC_020522	KCTD7	chr7:66093867-66108216	1.3874	1.14444	-0.277741	0.774191
XLOC_024316	CD24	chrY:21094584-21239302	5.10433	4.21051	-0.277725	0.700083
XLOC_000680	ADAMTSL4	chr1:150521897-15053341	3.2612	2.69058	-0.277485	0.730493
XLOC_015736	NPRL2	chr3:50384918-50391496	18.4228	15.2002	-0.277405	0.812215
XLOC_000658	LOC645166	chr1:148928285-14895305	4.99783	4.12362	-0.277392	0.857254
XLOC_011319	EEF2	chr19:3976053-3985461	2430.47	2005.39	-0.277354	0.691693
XLOC_008940	RPL23A	chr17:27046999-27053949	2665.38	2199.22	-0.27735	0.644333
XLOC_004862	EIF4B	chr12:53400061-53435993	166.342	137.263	-0.277211	0.595511
XLOC_005775	CCDC92	chr12:124420954-1244571	2.74935	2.2689	-0.277099	0.81342
XLOC_021288	SLC13A1	chr7:122753587-12284002	0.0345219	0.0284901	-0.277048	1
XLOC_022130	C8orf56	chr8:104145190-10424253	0.0584476	0.0482355	-0.277048	1
XLOC_017720	MTRNR2L2	chr5:79922044-80172634	52.7161	43.5063	-0.27702	0.841354
XLOC_006234	GAS6	chr13:114518582-1145670	26.1261	21.5621	-0.276996	0.603292
XLOC_017483	ERGIC1	chr5:172261222-17237968	71.8741	59.3242	-0.276853	0.589726
XLOC_006347	ATL1	chr14:50999799-51099784	0.753749	0.622142	-0.276839	0.839431
XLOC_001832	FLG	chr1:152274650-15229767	0.00122008	0.00100716	-0.276675	1
XLOC_002733	PLEKHA1	chr10:124134093-1241918	4.07532	3.36417	-0.276662	0.655465
XLOC_021605	CLV51	chr8:62200524-62627199	0.0244521	0.0201857	-0.276621	1
XLOC_013726	FAM210B	chr20:54933982-54943718	22.1538	18.2911	-0.276412	0.580916
XLOC_020993	NOD1	chr7:30464142-30518393	1.77731	1.46743	-0.276403	0.760503
XLOC_004563	TREH	chr11:118528941-1185503	0.0112526	0.0092907	-0.276396	1
XLOC_009627	RDM1	chr17:34245084-34257780	1.8413	1.52036	-0.27631	0.860362
XLOC_012407	TMEM177	chr2:120436742-12043969	36.9913	30.5453	-0.276235	0.589808
XLOC_015488	VPS8	chr3:184529930-18477040	3.73425	3.08357	-0.276217	0.638545
XLOC_006662	BTBD6	chr14:105675622-1058644	49.6498	41.0014	-0.276113	0.817762
XLOC_017603	AMACR,C1QTNF3	chr5:33987090-34124633	2.2737	1.8777	-0.276078	0.729625
XLOC_001330	CAMK2N1	chr1:20808883-20812728	23.2795	19.2325	-0.275514	0.595117
XLOC_014313	RUNX1	chr21:36160097-36421595	8.63361	7.13349	-0.275355	0.718774
XLOC_012252	WDR54	chr2:74648884-74652882	100.102	82.7226	-0.275124	0.574736

XLOC_006712	C14orf93	chr14:23456109-23479360	6.37969	5.2731	-0.274837	0.698227
XLOC_004431	GAB2	chr11:77926335-78128868	2.80208	2.31618	-0.274753	0.65543
XLOC_006141	MRPS31P5	chr13:52741844-52768602	2.15699	1.78308	-0.274645	0.779342
XLOC_022410	IDNK	chr9:86237963-86259045	2.93414	2.42553	-0.274637	0.845974
XLOC_022219	NAPRT1	chr8:144656954-144660513	49.9804	41.322	-0.274453	0.60005
XLOC_015833	PROS1	chr3:93591880-93692934	12.32294	10.1949	-0.274249	0.585568
XLOC_008657	HYDIN	chr16:70841286-71264625	0.0840007	0.0694604	-0.274211	1
XLOC_012309	LOC285033	chr2:96850602-96908362	1.61578	1.33613	-0.274164	0.985921
XLOC_000644	PIAS3	chr1:145575987-145589435	7.23443	5.98257	-0.274114	0.67045
XLOC_002704	ADRB1	chr10:115803805-11580666	0.367542	0.303947	-0.27409	0.923575
XLOC_017987	AGXT2L2	chr5:177631507-177659803	9.97049	8.24544	-0.274068	0.970195
XLOC_004548	LOC100652768	chr11:117049938-11707556	1.81658	1.50234	-0.274011	0.982497
XLOC_015505	ST6GAL1	chr3:186648314-186796347	3.55787	2.94247	-0.273987	0.679963
XLOC_002003	ANKRD36BP1	chr1:168214818-168216666	0.083874	0.0693758	-0.273791	1
XLOC_000163	LINC00339	chr1:22351706-22357715	11.7052	9.68226	-0.273733	0.713256
XLOC_010490	ATCAY	chr19:3880617-3928080	0.00401212	0.00331973	-0.2733	1
XLOC_004045	ZNF214	chr11:7020548-7041586	0.287065	0.237537	-0.273221	1
XLOC_023017	ZFP37	chr9:115804173-115818996	2.25673	1.86742	-0.273183	0.734084
XLOC_003071	ARHGAP19,SLIT1	chr10:98757794-99052430	2.36712	1.95934	-0.272769	0.682781
XLOC_003647	CCS	chr11:66360689-66373490	36.8423	30.4969	-0.272699	0.63573
XLOC_010495	EBI3	chr19:4229539-4237524	0.46637	0.386149	-0.272316	0.954287
XLOC_015030	RPSA	chr3:39448203-39454032	4232.73	3504.95	-0.272192	0.689349
XLOC_011007	FTL	chr19:49468565-49470136	9396.84	7782.42	-0.271956	0.713982
XLOC_007793	LYSMD4	chr15:100267611-10027362	3.07683	2.54866	-0.271708	0.752793
XLOC_015543	RPL35A	chr3:197615945-197686886	4309.93	3570.14	-0.271685	0.63475
XLOC_014102	USP25	chr21:17102495-17252377	4.10336	3.39914	-0.271633	0.637163
XLOC_009590	ABHD15	chr17:27887688-27894042	6.0599	5.01995	-0.271623	0.680196
XLOC_015492	C3orf65	chr3:185361526-185542827	0.033676	0.027899	-0.27151	1
XLOC_016934	ELF2	chr4:139978870-140060630	3.76482	3.11907	-0.271467	0.691625
XLOC_010894	CIC	chr19:42788816-42799949	10.3817	8.60221	-0.27127	0.613167
XLOC_007838	HAGHL	chr16:777265-779715	90.6737	75.1347	-0.271205	0.598176
XLOC_018769	DDAH2	chr6:31694816-31698039	47.9986	39.7795	-0.270967	0.612792
XLOC_009479	LINC00324	chr17:8123947-8127361	0.953454	0.790226	-0.270897	0.876899
XLOC_022835	ZBTB5	chr9:37438099-37465407	2.71362	2.24967	-0.270509	0.691613
XLOC_013692	ZSWIM3	chr20:44486219-44507769	1.26579	1.04938	-0.270493	0.830215
XLOC_004879	HOXC11	chr12:54356091-54370203	6.00063	4.97526	-0.270344	0.781453
XLOC_005816	TPTE2P6	chr13:25154345-25171812	0.0116151	0.00963041	-0.270333	1
XLOC_006145	PCDH8	chr13:53418108-53422775	0.00957694	0.00794063	-0.270312	1
XLOC_021350	DENND2A	chr7:140218219-140302343	0.00575408	0.0047713	-0.270204	1
XLOC_021213	C7orf61	chr7:100054237-100061894	0.302295	0.250686	-0.270072	1
XLOC_002514	NUDT13	chr10:74870209-74891581	0.945641	0.784211	-0.270051	0.852163
XLOC_018077	SOX4	chr6:21593971-21598849	8.6081	7.13867	-0.270004	0.638558
XLOC_004068	LOC440028	chr11:9776316-10315754	1.90131	1.57679	-0.27	0.94971
XLOC_024007	RBM41	chrX:106305117-106362057	0.997703	0.82742	-0.269991	0.836371
XLOC_023321	CXorf30	chrX:36246895-36403434	0.0330062	0.0273733	-0.269967	1
XLOC_022818	RMRP	chr9:35657747-35658015	118.48	98.2719	-0.269793	0.726892
XLOC_003125	OBFC1	chr10:105637317-10567804	2.32071	1.92495	-0.269751	0.68423
XLOC_014550	GCAT	chr22:38203911-38213183	118.84	98.5783	-0.269682	0.59243
XLOC_006867	ZFP36L1	chr14:69254371-69262960	117.083	97.1243	-0.269633	0.630184
XLOC_005144	ACADS	chr12:121163570-121177787	54.3957	45.1232	-0.269624	0.585568
XLOC_011029	FCGRT	chr19:50015535-50029685	41.6314	34.5515	-0.268925	0.620054
XLOC_002230	HIST3H2A	chr1:228645064-228645566	40.3761	33.5099	-0.268911	0.782956
XLOC_021756	PHF20L1	chr8:133787603-133861052	3.42228	2.84059	-0.268765	0.685156
XLOC_001817	POGZ	chr1:151375199-151431947	5.13075	4.25868	-0.268763	0.624337
XLOC_021779	RHPN1	chr8:144451024-144466396	24.6133	20.4305	-0.268708	0.609835
XLOC_018429	PRDM1	chr6:106534194-106557814	0.194187	0.161191	-0.268676	1
XLOC_008380	ZNF200	chr16:3272324-3285457	3.56968	2.96321	-0.268634	0.708818
XLOC_024152	LOC100131434	chrX:148609131-148621313	0.0627255	0.052071	-0.268574	1
XLOC_015304	FAM86JP	chr3:125635443-125655887	1.07839	0.895252	-0.268516	0.883756
XLOC_008058	LOC100862671	chr16:30751511-30756517	4.74542	3.93957	-0.268498	0.736403
XLOC_023093	NAIF1	chr9:130823511-130829599	3.96993	3.29627	-0.268277	0.728225
XLOC_012187	RPS27A	chr2:55399686-55462989	2067.7	1716.84	-0.268266	0.663653
XLOC_007945	SHISA9	chr16:12995476-13334273	0.992926	0.824494	-0.268177	0.773848
XLOC_002350	OPTN	chr10:13142081-13180276	30.5584	25.3751	-0.268156	0.59669
XLOC_005217	RAD52	chr12:1021254-1058863	3.20388	2.66044	-0.268156	0.746078
XLOC_015340	NUDT16	chr3:131100514-131107674	6.47301	5.37544	-0.268056	0.923894
XLOC_008383	MTRNR2L4	chr16:3421052-3422283	0.210508	0.174825	-0.267962	1
XLOC_003948	DEAF1	chr11:644224-705028	39.1211	32.4902	-0.267941	0.669515
XLOC_014740	MN1	chr22:28144264-28197486	0.0119696	0.00994126	-0.26787	1
XLOC_017962	KIAA1191	chr5:175773065-175788805	37.0369	30.7618	-0.267824	0.598722
XLOC_011329	PLIN5	chr19:4522543-4535208	1.57362	1.30709	-0.267727	0.848438
XLOC_022658	LOC100130954	chr9:138466770-138478958	0.00854616	0.00709877	-0.267707	1
XLOC_009989	UBE2O	chr17:74385612-74449288	9.93833	8.25521	-0.267699	0.625
XLOC_004091	RPS13	chr11:17095938-17099220	3827.66	3179.48	-0.267672	0.641563
XLOC_001136	ZBTB18	chr1:244214560-244220778	2.08662	1.73351	-0.267471	0.762783
XLOC_007155	DLL4	chr15:41221530-41231258	1.1871	0.986273	-0.267383	0.851389
XLOC_010604	ZNF69	chr19:11998669-12025365	2.54121	2.11147	-0.267268	0.803764
XLOC_001315	IFFO2	chr1:19230773-19282826	8.84096	7.34611	-0.267222	0.622798
XLOC_016870	MANBA	chr4:103552642-103682157	11.3794	9.45555	-0.26719	0.628471

XLOC_011820	PLEKHA4	chr19:49340353-49371884	8.29779	6.89597	-0.266973	0.686575
XLOC_011784	ZNF784	chr19:56132106-56135941	9.86902	8.20185	-0.266958	0.726892
XLOC_011992	ZNF550	chr19:58058342-58067725	0.440984	0.366489	-0.266957	0.933023
XLOC_010361	C18orf32,RPL17,RPL17-C18	chr18:47007547-47018935	4197.91	3489.81	-0.266521	0.688314
XLOC_023955	PGAM4	chrX:77166193-77305892	0.179493	0.149222	-0.266475	1
XLOC_020977	HOXA4	chr7:27168125-27170399	5.61184	4.66542	-0.266467	0.775379
XLOC_005166	C12orf65	chr12:123717843-12374250	10.5496	8.77075	-0.266421	0.671133
XLOC_020967	C7orf31	chr7:25174315-25219817	1.5548	1.29267	-0.266368	0.781725
XLOC_002964	PBLD	chr10:70042416-70102953	0.414877	0.345003	-0.266075	0.991767
XLOC_016263	PI4K2B	chr4:25235652-25280831	3.17175	2.63787	-0.265902	0.713542
XLOC_019028	SESNI	chr6:109307639-109415708	3.52235	2.92949	-0.26589	0.742065
XLOC_002891	ZNF33B	chr10:43084554-43133992	2.53382	2.10752	-0.265766	0.677086
XLOC_016382	PARM1	chr4:75858284-75975325	1.46303	1.21698	-0.265656	0.759915
XLOC_023078	RPL12	chr9:130209952-13021371	9837.29	8183.19	-0.265598	0.711382
XLOC_009242	PITPNC1	chr17:65373396-65693379	6.73936	5.60734	-0.265294	0.606206
XLOC_014403	DGCR6	chr22:18893735-18899601	25.1363	20.916	-0.265163	0.68317
XLOC_022633	RPL7A	chr9:136215068-136218280	11642.4	9687.81	-0.265143	0.78079
XLOC_011925	ZNF160	chr19:53569866-53606687	4.68368	3.89752	-0.265088	0.654699
XLOC_017324	PHF15	chr5:133861797-133918918	3.90665	3.25107	-0.265015	0.662283
XLOC_017487	CREBRF	chr5:172483354-17256629	2.0429	1.70035	-0.264787	0.727727
XLOC_005000	ZDHHC17	chr12:77157853-77247474	2.64846	2.20442	-0.264755	0.699172
XLOC_001521	PIK3R3	chr1:46505811-46598708	1.14902	0.956375	-0.264751	0.772137
XLOC_022355	DCAF10	chr9:37800789-37867665	2.7262	2.26917	-0.26473	0.651582
XLOC_002244	EGLN1	chr1:231499496-231560790	18.7644	15.6189	-0.2647	0.626327
XLOC_015850	RPL24	chr3:101399933-10140556	4657.33	3877.02	-0.264555	0.664776
XLOC_001890	CLK2	chr1:155232658-15524328	16.6169	13.8331	-0.264523	0.656683
XLOC_003949	PDDC1	chr11:767222-777487	16.0347	13.3494	-0.264419	0.61004
XLOC_009443	LOC100506713	chr17:6888441-6915653	1.43175	1.19217	-0.26419	0.926446
XLOC_003603	TM7SF2,VPS51	chr11:64863586-64883707	61.8801	51.5261	-0.26417	0.711434
XLOC_000064	SLC45A1	chr1:8384389-8404227	3.7941	3.15943	-0.264097	0.807514
XLOC_022723	C9orf123	chr9:7796490-7799799	29.3625	24.4515	-0.264048	0.610004
XLOC_009017	ARHGAP23	chr17:36584719-36688628	2.50954	2.08982	-0.264044	0.745032
XLOC_015408	RAP2B	chr3:152880028-15288626	5.71382	4.75828	-0.264015	0.626547
XLOC_016532	DCLK2	chr4:150999425-151178608	0.649201	0.540683	-0.263884	0.855674
XLOC_020419	PRR15	chr7:29603426-29606911	2.82189	2.35034	-0.263794	0.855701
XLOC_004319	ZNHIT2	chr11:64883874-64885170	22.7353	18.9372	-0.263713	0.737171
XLOC_012433	ARHGEF4	chr2:131674223-131804830	0.00589201	0.00490801	-0.263621	1
XLOC_004158	CHRM4	chr11:46406639-46408107	0.234235	0.195132	-0.263503	1
XLOC_001993	FAM78B	chr1:166039255-166135958	3.51685	2.92982	-0.263472	0.832742
XLOC_022064	ZFAND1	chr8:82613565-82633539	47.1909	39.3178	-0.263327	0.634966
XLOC_012833	OST4	chr2:27274490-27294567	564.838	470.66	-0.263154	0.674163
XLOC_005593	PHLDA1	chr12:76419226-76425556	63.4807	52.9073	-0.262853	0.63208
XLOC_021034	POLM	chr7:44111846-44122129	6.10356	5.08724	-0.26277	0.727212
XLOC_002875	ARHGAP12	chr10:32094325-32217804	5.61513	4.68058	-0.262631	0.648914
XLOC_003016	ZCCHC24	chr10:81142082-81205383	1.59764	1.33174	-0.262631	0.771183
XLOC_000825	FCER1G	chr1:161185086-161189038	0.625732	0.521593	-0.262621	0.959465
XLOC_007308	MPI	chr15:75182409-75190565	53.0373	44.2135	-0.262522	0.613617
XLOC_003536	CD5	chr11:60869929-60895323	0.00713956	0.00595189	-0.262487	1
XLOC_021197	TRIM4	chr7:99488029-99517223	9.25402	7.71473	-0.262465	0.643946
XLOC_016880	TBCK	chr4:106967232-10727038	1.54859	1.29106	-0.262397	0.97028
XLOC_006981	ANKRD9	chr14:102973197-1029761	17.4997	14.591	-0.262249	0.76657
XLOC_018617	MGC39372	chr6:2854890-2876744	2.24271	1.87009	-0.262133	0.855266
XLOC_017108	NIPBL	chr5:36876860-37065921	1.62656	1.35644	-0.261999	0.686574
XLOC_021083	ZNF680	chr7:63980254-64023505	1.55586	1.29749	-0.261994	0.787604
XLOC_011100	ZNF813	chr19:53970988-53997546	0.0130609	0.0108931	-0.261845	1
XLOC_009088	IFI35	chr17:41158741-41166476	6.46069	5.38937	-0.261571	0.788853
XLOC_018520	KIAA1244	chr6:138483052-138665800	3.03943	2.53548	-0.261539	0.624393
XLOC_007550	MIR1282	chr15:44038589-44094769	22.6091	18.8606	-0.261529	0.952371
XLOC_018467	DCBLD1	chr6:117803819-117923708	0.613143	0.511491	-0.261515	0.981044
XLOC_020642	MBLAC1	chr7:99724319-99726121	3.79164	3.16334	-0.261372	0.851252
XLOC_008103	RBL2	chr16:53468350-53537170	3.77953	3.15333	-0.26133	0.811389
XLOC_015084	NBEAL2	chr3:46963230-47051194	5.08462	4.2422	-0.261328	0.799291
XLOC_021143	SEMA3A	chr7:83587658-83824217	1.76718	1.47456	-0.261159	0.724155
XLOC_000335	SZT2	chr1:43855555-43919918	1.46212	1.22004	-0.261132	0.832052
XLOC_014079	PTK6	chr20:62159775-62168723	4.17672	3.48522	-0.261118	0.781066
XLOC_017159	MAST4	chr5:65892175-66465423	0.704616	0.587967	-0.261103	0.850379
XLOC_016057	PHC3	chr3:169805367-16989953	1.59273	1.32906	-0.261094	0.661281
XLOC_002252	IRF2BP2	chr1:234740014-23474527	22.8541	19.0716	-0.261025	0.618233
XLOC_004300	BAD	chr11:64037299-64056972	83.6515	69.8072	-0.261016	0.728031
XLOC_021121	PMS2P3	chr7:75137068-75157453	1.02016	0.85146	-0.26079	0.899309
XLOC_017528	RUFY1	chr5:178977561-17903702	11.0075	9.18874	-0.260545	0.648914
XLOC_004537	C11orf71	chr11:114262169-1142712	6.91995	5.77769	-0.260269	0.879021
XLOC_015061	ZNF35	chr3:44690232-44702283	2.37145	1.98001	-0.26026	0.771625
XLOC_015442	GPR160	chr3:169755734-16980318	19.1129	15.9595	-0.260131	0.638558
XLOC_021110	CLDN3	chr7:73183326-73184600	2.40819	2.01124	-0.259865	0.904096
XLOC_001303	CROCCP2	chr1:16944750-16957401	20.8506	17.4145	-0.259801	0.671358
XLOC_002819	PHYH	chr10:13319795-13342130	36.141	30.1887	-0.259627	0.624337
XLOC_008607	TK2	chr16:66541905-66584315	4.70904	3.93358	-0.259587	0.67579
XLOC_022190	ZFAT	chr8:135490030-13572529	1.58424	1.32347	-0.259465	0.778107

XLOC_005451	POU6F1	chr12:51580718-51611477	1.93491	1.61653	-0.259369	0.751467
XLOC_008894	LLGL1	chr17:18128935-18162230	18.1185	15.1382	-0.259271	0.931473
XLOC_020412	HOTTIP	chr7:27240039-27246130	0.0735569	0.0614615	-0.259178	1
XLOC_017250	PAM	chr5:102201526-10236680	12.0591	10.0766	-0.259115	0.632634
XLOC_010130	CEP192	chr18:12991360-13125051	0.932891	0.779541	-0.259083	0.754197
XLOC_012078	DNAJC27-AS1	chr2:25194980-25262563	0.0147738	0.0123461	-0.25899	1
XLOC_007850	GNPTG	chr16:1401899-1464705	21.7943	18.2133	-0.258956	0.797816
XLOC_017981	FAM193B	chr5:176946789-17698154	10.1108	8.45177	-0.258576	0.695626
XLOC_009930	C17orf58	chr17:65987216-65989765	18.5821	15.5353	-0.258363	0.671358
XLOC_007267	SKOR1	chr15:68112041-68126174	0.630227	0.526898	-0.258349	0.914275
XLOC_017016	CLDN22	chr4:184020462-18424192	1.72208	1.43997	-0.258112	0.900578
XLOC_017798	IRF1	chr5:131817300-13182646	3.78622	3.16616	-0.258025	0.740534
XLOC_018310	CUL9	chr6:43149921-43192325	2.12385	1.77612	-0.257951	0.721145
XLOC_012260	HK2	chr2:75059781-75120481	40.8955	34.2	-0.257948	0.643468
XLOC_021878	FAM86B2	chr8:12283123-12293852	1.04098	0.870575	-0.257898	0.913628
XLOC_005175	DNAH10	chr12:124247041-1244202	0.0883239	0.0738776	-0.257668	1
XLOC_008172	ELMO3	chr16:67233027-67237927	2.07812	1.73826	-0.257633	0.844212
XLOC_010449	CIRBP	chr19:1267469-1274809	113.475	94.9248	-0.257514	0.657573
XLOC_009277	SLC16A5	chr17:73083821-73102255	6.15766	5.15111	-0.257497	0.786804
XLOC_005077	C12orf23	chr12:107349543-1073678	11.4837	9.60662	-0.257489	0.637571
XLOC_021917	STC1	chr8:23699433-23712320	0.0371162	0.031052	-0.257363	1
XLOC_012197	C2orf74	chr2:61372242-61391964	0.0839336	0.0702268	-0.257226	1
XLOC_020647	PILRB	chr7:99905324-99965454	46.6937	39.0687	-0.257214	0.738943
XLOC_017277	DMXL1	chr5:118407083-11858482	0.874921	0.732148	-0.257019	0.734475
XLOC_013716	LOC284751	chr20:48909256-48931456	0.324856	0.271867	-0.256899	1
XLOC_002848	LOC100499489	chr10:22724353-22726858	2.89474	2.42264	-0.256853	0.823458
XLOC_003918	TMEM45B	chr11:129685740-1297298	0.0736621	0.0616523	-0.256768	1
XLOC_003267	LOC100506082	chr11:4208381-4223883	0.180935	0.151448	-0.256647	1
XLOC_014329	BRWD1-IT2	chr21:40685860-40686888	0.571001	0.47795	-0.256633	0.953271
XLOC_011273	C19orf26	chr19:1229946-1237990	3.12513	2.61619	-0.256449	0.830101
XLOC_014062	LAMA5	chr20:60884120-60942368	3.21703	2.69321	-0.2564	0.792593
XLOC_009380	TLCD2	chr17:1606083-1613662	1.38167	1.15686	-0.256201	0.762783
XLOC_005238	CD27-AS1	chr12:6548166-6560884	3.838	3.21366	-0.256135	0.770777
XLOC_013113	PAX8	chr2:113973573-11403649	1.25441	1.05036	-0.256119	0.939371
XLOC_008385	ZNF597	chr16:3486109-3493490	1.06386	0.890809	-0.256117	0.878089
XLOC_012668	INHHA	chr2:220436953-22044043	0.510028	0.427122	-0.255927	0.939056
XLOC_006092	KBTBD6	chr13:41701708-41706936	1.31438	1.10091	-0.255686	0.780734
XLOC_003637	PACS1	chr11:65837823-66012218	20.2096	16.929	-0.25555	0.633551
XLOC_004517	RDX	chr11:110045604-1101674	0.011235	0.00941152	-0.255504	1
XLOC_008901	TRIM16L	chr17:18625401-18639431	5.43683	4.55505	-0.255299	0.767227
XLOC_002931	ERCC6,PGBD3	chr10:50664490-50747147	1.61881	1.35629	-0.255275	0.832722
XLOC_011455	DHPS	chr19:12777617-12792701	50.0161	41.9062	-0.255229	0.906464
XLOC_007810	MPG	chr16:127017-188697	192.058	160.924	-0.255158	0.787338
XLOC_004626	ARHGAP32	chr11:128834954-1290620	1.79273	1.50218	-0.255106	0.7155
XLOC_013371	NHEJ1	chr2:219940045-22002558	8.48032	7.1061	-0.255059	0.712164
XLOC_011738	LOC100379224	chr19:44598481-44617336	2.21375	1.85557	-0.254629	0.765568
XLOC_007803	PCSK6	chr15:101844132-1020301	5.80967	4.86983	-0.254585	0.768425
XLOC_004070	MTRNR2L8	chr11:10529433-10530723	39.1137	32.787	-0.25455	0.642209
XLOC_014610	PNPLA3	chr22:44319618-44343448	0.797781	0.668764	-0.254497	0.873788
XLOC_021619	ADHFE1	chr8:67344717-67381044	0.29157	0.244425	-0.254452	1
XLOC_020921	PMS2	chr7:6012869-6048737	1.27462	1.0686	-0.254345	0.838297
XLOC_012165	EPAS1	chr2:46524540-46613842	2.48401	2.08256	-0.254317	0.753148
XLOC_000456	ZRANB2-AS1	chr1:71318035-71546972	0.0307616	0.0257919	-0.254214	1
XLOC_002777	PAOX	chr10:135192740-1352051	6.68852	5.6089	-0.253967	0.786348
XLOC_002721	FAM45A	chr10:120863610-1208973	7.55573	6.33615	-0.253964	0.697216
XLOC_011621	ZFP14	chr19:36825354-36870105	0.274134	0.229886	-0.253963	1
XLOC_021368	EPHA1	chr7:143078359-14322054	0.0130163	0.0109177	-0.253656	1
XLOC_006799	METTL21D	chr14:50575349-50583297	4.46487	3.74554	-0.253445	0.789979
XLOC_014599	FAM109B	chr22:42470254-42475442	3.26338	2.73795	-0.25327	0.807124
XLOC_014596	LINC00634	chr22:42348190-42354946	0.355535	0.298292	-0.253266	0.958902
XLOC_023509	DIAPH2	chrX:95939661-96855597	4.96394	4.16492	-0.253198	0.697216
XLOC_012657	FAM134A	chr2:220042938-22005019	30.5974	25.6756	-0.253011	0.632634
XLOC_011315	MATK	chr19:3777966-3801810	1.32213	1.10956	-0.252873	0.892588
XLOC_005705	MAPKAPK5-AS1	chr12:112277572-1123312	10.3005	8.64466	-0.252828	0.891375
XLOC_010324	TRAPPC8	chr18:29409135-29523091	2.02164	1.697	-0.252541	0.729849
XLOC_002077	IVNS1ABP	chr1:185265521-18528646	17.182	14.4232	-0.252505	0.638092
XLOC_007979	TMEM159	chr16:20944475-21191937	51.8099	43.4914	-0.252498	0.62776
XLOC_003704	ARHGEF17	chr11:73019662-73080425	3.40206	2.85618	-0.252322	0.705025
XLOC_017980	DDX41	chr5:176938577-17694396	46.7402	39.2416	-0.252283	0.651749
XLOC_014758	OSM	chr22:30658818-30662829	0.0136332	0.0114471	-0.252143	1
XLOC_001503	KDM4A-AS1	chr1:44115796-44173012	0.524904	0.440816	-0.251877	0.990857
XLOC_019014	HACE1	chr6:105175967-10530779	0.946085	0.794528	-0.251872	0.823379
XLOC_000509	RPL5	chr1:93297593-93427079	2433.09	2043.33	-0.251865	0.707294
XLOC_008834	KDM6B	chr17:7743234-7758118	5.91605	4.96852	-0.251818	0.690873
XLOC_012059	FAM84A	chr2:14772809-14780168	0.0055086	0.0046264	-0.251795	1
XLOC_003242	BRSK2	chr11:1411128-1483919	11.0601	9.28893	-0.251778	0.697381
XLOC_002091	ZBTB41	chr1:197122813-19716967	0.444223	0.373134	-0.251587	0.829181
XLOC_012228	PCYOX1	chr2:70485230-70508317	6.78117	5.69616	-0.251546	0.662533
XLOC_004298	TRPT1	chr11:63974151-63993726	69.6518	58.5077	-0.251534	0.671358

XLOC_014690	PI4KAP1	chr22:20383730-20398695	13.0834	10.9902	-0.251524	0.700392
XLOC_022319	UBE2R2	chr9:33817181-33920401	15.8453	13.3109	-0.251452	0.639984
XLOC_021621	C8orf44,C8orf44-SGK3,SGK	chr8:67579786-67774257	2.27272	1.90936	-0.251326	0.799943
XLOC_021778	ZNF696	chr8:144373558-144382120	6.45457	5.42298	-0.251236	0.693737
XLOC_012409	EPB41L5	chr2:120770603-120936697	1.79825	1.51099	-0.251094	0.751417
XLOC_015735	ZMYND10	chr3:50378536-50383156	0.665852	0.559535	-0.250972	0.917325
XLOC_001379	NR0B2	chr1:27237974-27240567	0.0407764	0.0342661	-0.25095	1
XLOC_009245	BPTF	chr17:65821779-65980494	1.52306	1.28003	-0.250795	0.696224
XLOC_021366	OR6W1P	chr7:142759380-142760882	0.0141966	0.0119326	-0.250643	1
XLOC_010026	AZI1	chr17:79163392-79196751	10.0554	8.45248	-0.250526	0.700307
XLOC_009552	ULK2	chr17:19674142-19771239	1.7185	1.44471	-0.250373	0.790283
XLOC_020705	TES	chr7:115850546-115898837	0.0176035	0.0147992	-0.250348	1
XLOC_004103	UEVLD	chr11:18552949-18610293	1.03765	0.872403	-0.250254	0.863743
XLOC_015064	KIF15	chr3:44803208-44894748	2.5833	2.17194	-0.250232	0.733161
XLOC_010522	ALKBH7	chr19:6372443-6375261	77.1297	64.8538	-0.250095	0.648914
XLOC_022382	PGM5	chr9:70970108-71145977	0.0104388	0.00877751	-0.25007	1
XLOC_014702	YPEL1	chr22:22020272-22090071	3.33632	2.80591	-0.249791	0.880115
XLOC_012618	IDH1-AS1	chr2:209119956-209120911	1.37842	1.15936	-0.249689	0.952344
XLOC_011635	ZFP30	chr19:38123388-38146313	1.16031	0.975979	-0.249592	0.796801
XLOC_002397	BAMBI	chr10:28966423-28991868	5.96427	5.01694	-0.249538	0.78475
XLOC_017480	FGF18	chr5:170846666-170884630	0.382641	0.32188	-0.249468	0.944724
XLOC_003077	AVP1	chr10:99437180-99447015	18.7453	15.7693	-0.24941	0.728031
XLOC_011893	VSIQ10L	chr19:51834794-51845378	1.12749	0.948532	-0.249344	0.860963
XLOC_005926	OR17E156P	chr13:64311567-64316701	0.00925955	0.00779031	-0.249262	1
XLOC_003854	UPK2	chr11:118827007-11882920	0.0598657	0.0503686	-0.249203	1
XLOC_010226	ZCCHC2	chr18:60190657-60245818	1.49657	1.25918	-0.249174	0.785168
XLOC_012717	SCARNA6	chr2:234160216-234204320	0.189898	0.159776	-0.249172	1
XLOC_000433	PGM1	chr1:64058946-64125916	46.3613	39.0142	-0.248922	0.650192
XLOC_017372	PCDHB5	chr5:140514799-140517704	0.0156852	0.0131998	-0.248885	1
XLOC_009803	OSBPL7	chr17:45884732-45899147	3.12287	2.62847	-0.248652	0.7854
XLOC_011650	ECH1	chr19:39306061-39322497	135.31	113.892	-0.248597	0.643946
XLOC_001411	NKAIN1	chr1:31652591-31712734	1.95739	1.64775	-0.248434	0.846273
XLOC_008893	ALKBH5	chr17:18086866-18113267	55.8916	47.0536	-0.248327	0.664776
XLOC_020648	PILRA	chr7:99971067-99997722	0.572802	0.482245	-0.248273	0.937765
XLOC_001295	FAM131C	chr1:16384263-16400127	26.0422	21.927	-0.248141	0.695395
XLOC_023500	APOOL	chrX:84258897-84363974	2.40902	2.02838	-0.248121	0.723556
XLOC_016138	SDHAP1	chr3:195686791-195717150	1.03602	0.872371	-0.248044	1.0872554
XLOC_007574	FLJ10038	chr15:50569388-50650503	0.904965	0.76205	-0.247977	0.95223
XLOC_021934	ZNF395	chr8:28203101-28243977	14.3775	12.108	-0.247846	0.669766
XLOC_023063	MIR600HG	chr9:125871772-125877750	0.95952	0.808092	-0.247793	0.820463
XLOC_003630	CCDC85B	chr11:65657874-65659106	294.468	248.033	-0.247579	0.643825
XLOC_003107	MGEA5	chr10:103544199-10357822	21.5525	18.1593	-0.247151	0.63426
XLOC_014913	ARSA	chr22:51061181-51066601	8.55668	7.21004	-0.247103	0.701805
XLOC_015740	CISH	chr3:50643884-50649262	2.29182	1.93142	-0.246832	0.846243
XLOC_014597	SEPT3	chr22:42372930-42394225	9.19448	7.74871	-0.246812	0.71659
XLOC_013574	FRG1B	chr20:29611878-29634007	8.30289	6.99759	-0.246755	0.788214
XLOC_015063	ZNF501	chr3:44771097-44778575	0.67808	0.571481	-0.246751	0.865806
XLOC_011096	ZNF845	chr19:53837001-53858122	1.28985	1.08712	-0.246698	0.797015
XLOC_011646	MAP4K1	chr19:39078280-39108643	0.120952	0.101944	-0.24666	1
XLOC_011816	IZUMO1	chr19:49244144-49250166	0.0136367	0.0114941	-0.2466	1
XLOC_022240	CPSF1	chr8:145597730-145634730	31.3679	26.4407	-0.246531	0.715782
XLOC_006297	RNF31	chr14:24616658-24629870	10.3055	8.68767	-0.246379	0.69673
XLOC_004036	RRP8	chr11:6621143-6624880	13.4912	11.3739	-0.246288	0.711382
XLOC_023072	SCAI	chr9:127704887-127905830	1.11801	0.94256	-0.246274	0.729713
XLOC_011566	ZNF100	chr19:21906842-21950430	1.58048	1.33247	-0.246258	0.781764
XLOC_011479	SAMD1	chr19:14199228-14201232	52.1462	43.9642	-0.246234	0.700083
XLOC_005348	ABCC9	chr12:21950323-22089628	0.480514	0.405122	-0.246223	0.827642
XLOC_021900	NUDT18	chr8:21964382-21966932	12.1731	10.2634	-0.246179	0.75896
XLOC_002606	TBC1D12	chr10:96162185-96296089	1.65828	1.39815	-0.246168	0.770784
XLOC_007242	LACTB	chr15:63413998-63434260	7.00003	5.90207	-0.246139	0.740134
XLOC_015876	KIAA2018	chr3:113367232-113415493	0.586931	0.494901	-0.246051	0.779728
XLOC_005409	COL2A1	chr12:48366747-48398285	0.00869856	0.00733466	-0.246046	1
XLOC_006728	DHRS4-AS1	chr14:24407939-24438488	2.3418	1.97487	-0.245857	0.92969
XLOC_016599	ANKRD37	chr4:186317839-186347130	10.3106	8.69574	-0.245746	0.956604
XLOC_016738	LRRC66	chr4:52859865-52883786	0.0670217	0.0565306	-0.245596	1
XLOC_017120	ZNF131	chr5:43121641-43175823	3.48156	2.93662	-0.245578	0.771945
XLOC_001216	MORN1	chr1:2252695-2322993	0.852881	0.719408	-0.245534	0.952469
XLOC_023896	SPIN3	chrX:57002802-57021988	1.90292	1.60518	-0.245485	0.863743
XLOC_014576	LOC100130899	chr22:40428335-40432581	5.8376	4.92495	-0.245266	0.71619
XLOC_010723	ZNF85	chr19:21106058-21133503	1.31826	1.11218	-0.245235	0.85377
XLOC_003858	VPS11	chr11:118938492-11895260	12.6389	10.6635	-0.245192	0.678791
XLOC_004087	CYP2R1	chr11:14899555-14913751	11.3444	9.57148	-0.245164	0.726865
XLOC_009757	VAT1	chr17:41166621-41174459	187.224	157.972	-0.2451	0.666069
XLOC_023661	CXorf40A	chrX:148622518-148632080	7.60986	6.42094	-0.245085	0.751043
XLOC_020739	CCDC136	chr7:128431463-128462187	6.09262	5.14086	-0.245054	0.779382
XLOC_017524	ZFP2	chr5:178322915-178360210	0.326186	0.275313	-0.244625	1
XLOC_010940	MARK4	chr19:45754515-45808541	12.3236	10.4035	-0.244364	0.669515
XLOC_004919	RPS26	chr12:56435685-56438007	2274.57	1920.19	-0.244346	0.686575
XLOC_017793	FNIP1	chr5:130977406-131132750	5.8403	4.93074	-0.244239	0.668888

XLOC_020767	CALD1	chr7:134464163-134655480	28.1218	23.7432	-0.244175	0.701805
XLOC_001859	S100A13	chr1:153591275-153618782	480.49	405.679	-0.244169	0.797849
XLOC_018157	HLA-F	chr6:29691116-29716826	71.4393	60.3193	-0.244098	0.671254
XLOC_005586	ZFC3H1	chr12:72003378-72074428	1.6077	1.35751	-0.244027	0.790918
XLOC_020762	EXOC4	chr7:132937822-133750513	17.9395	15.1479	-0.24402	0.651901
XLOC_002529	ZNF503-AS2	chr10:77157602-77168740	2.10809	1.78005	-0.244014	0.971098
XLOC_014070	DID01	chr20:61509089-61569304	6.548	5.52949	-0.24391	0.80896
XLOC_007295	LOXL1	chr15:74209808-74244478	5.84044	4.93238	-0.243792	0.851637
XLOC_016402	PRDM8	chr4:81106423-81125482	23.339	19.7109	-0.243749	0.669766
XLOC_010771	ZNF181	chr19:35225479-35233774	1.97367	1.66694	-0.24368	0.793112
XLOC_011684	NUMBL	chr19:41171811-41196556	11.4645	9.68315	-0.243621	0.701805
XLOC_012043	IAH1	chr2:9614669-9628591	41.2959	34.8815	-0.243539	0.695593
XLOC_017377	PCDHB16	chr5:140560979-140565796	1.12337	0.94891	-0.243491	0.83481
XLOC_010966	CCDC9	chr19:47759730-47775210	7.74908	6.54567	-0.243484	0.772137
XLOC_017051	PLEKHG4B	chr5:140372-190087	0.0051093	0.00431686	-0.243143	1
XLOC_003801	ATM	chr11:108093558-10823982	1.44173	1.21816	-0.24309	0.714729
XLOC_017207	BHMT2	chr5:78365546-78385897	0.00693814	0.00586254	-0.243024	1
XLOC_008975	SH3GL1P1	chr17:30348154-30380519	0.381994	0.322783	-0.242985	0.979701
XLOC_018663	CCDC2	chr6:24171982-24383520	0.586063	0.49523	-0.242957	0.877363
XLOC_018161	HLA-F	chr6:29910246-29913661	1234.94	1043.56	-0.242935	0.711487
XLOC_023501	ZNF711	chrX:84498996-84528368	1.1224	0.94846	-0.242929	0.80896
XLOC_002590	HECTD2	chr10:93066718-93371217	0.843789	0.713096	-0.242785	0.873788
XLOC_015806	SUCLG2	chr3:67410883-67705038	25.6925	21.7176	-0.242485	0.653383
XLOC_008410	CARHSP1	chr16:8946801-8962863	29.8967	25.2722	-0.242433	0.67045
XLOC_011080	ZNF766	chr19:52772823-52795976	4.44152	3.75465	-0.242376	0.733942
XLOC_017125	ISL1	chr5:50668570-50690563	0.199606	0.168749	-0.242279	1
XLOC_011683	BLVRB	chr19:40953690-40971725	188.591	159.445	-0.242206	0.653704
XLOC_011191	ZNF865	chr19:56124958-56129907	8.36968	7.07642	-0.242153	0.718598
XLOC_010007	TIMP2	chr17:76849058-76921472	8.67718	7.33736	-0.241966	0.694071
XLOC_014886	WNT7B	chr22:46316247-46373008	0.00702581	0.0059413	-0.241886	1
XLOC_011445	ZNF44	chr19:12382624-12405714	2.00947	1.69934	-0.24184	0.820869
XLOC_008323	CCDC78	chr16:771141-776473	4.1333	3.4956	-0.241755	0.946765
XLOC_022509	SNX30	chr9:115513133-115637267	2.93298	2.48052	-0.241727	0.703942
XLOC_000734	SLC27A3	chr1:153747767-153752633	7.13084	6.03093	-0.241693	0.786804
XLOC_014386	LSS	chr21:47608359-47648738	16.5915	14.0337	-0.24154	0.669515
XLOC_009994	MXRA7	chr17:74671808-74707056	52.7868	44.6536	-0.241401	0.664397
XLOC_011910	ZNF350	chr19:52467592-52490079	2.51943	2.13146	-0.241254	0.811564
XLOC_014047	PMEP1A	chr20:56223447-56286592	0.896267	0.758291	-0.241177	0.854671
XLOC_014419	LOC729444	chr22:20325589-20350461	0.0155749	0.0131788	-0.241007	1
XLOC_007264	IQCH	chr15:67493012-67819641	0.86163	0.729104	-0.240943	0.990994
XLOC_015950	ASTE1	chr3:130569368-130745644	2.09536	1.77323	-0.240814	0.976618
XLOC_021106	MLXIPL	chr7:73007523-73038870	6.21468	5.2594	-0.240783	0.762454
XLOC_023795	KLHL15	chrX:24001832-24045303	1.60107	1.35516	-0.240572	0.771707
XLOC_008041	TMEM219	chr16:29973350-29984373	113.48	96.0513	-0.24056	0.664776
XLOC_001479	OXCT2	chr1:40204516-40254533	1.85778	1.5727	-0.240343	0.990857
XLOC_009236	RGS9	chr17:63133455-63223821	0.100414	0.0850098	-0.240254	1
XLOC_004796	KIAA1551	chr12:32112352-32146043	0.796926	0.674703	-0.240194	0.814926
XLOC_022220	EEF1D	chr8:144661866-144679845	1351.39	1144.31	-0.239963	0.718092
XLOC_023092	FAM102A	chr9:130702860-130742812	12.5167	10.5993	-0.239886	0.694071
XLOC_017062	C5orf38	chr5:2752261-2755511	6.94206	5.8787	-0.239868	0.883756
XLOC_006100	TSC22D1	chr13:45006278-45154568	16.355	13.85	-0.239849	0.687296
XLOC_017180	MAP1B	chr5:71403117-71505397	0.00848624	0.007187	-0.239735	1
XLOC_011938	TFPT	chr19:54610319-54635150	11.4552	9.70161	-0.239702	0.96296
XLOC_010499	MPND	chr19:4343523-4360083	23.9449	20.2813	-0.23957	0.721145
XLOC_013480	FAM110A	chr20:814355-826922	10.7387	9.0959	-0.239528	0.799188
XLOC_003563	C11orf83	chr11:62430288-62441162	18.155	15.3817	-0.239149	0.917325
XLOC_011399	ZNF266	chr19:9523101-9546254	9.76776	8.2769	-0.238937	0.685558
XLOC_004934	GPR182	chr12:57388354-57390469	0.032178	0.0272669	-0.238925	1
XLOC_002658	HPS6	chr10:103825123-10382775	19.1978	16.2687	-0.238843	0.695737
XLOC_011325	STAP2	chr19:4324039-4338847	18.9268	16.0403	-0.238726	0.734037
XLOC_010995	KCNJ14	chr19:48958963-48969367	0.750835	0.636335	-0.238709	0.89982
XLOC_006271	RPGRI1P1	chr14:21756135-21819460	0.00733925	0.00622069	-0.23856	1
XLOC_022596	ENDOG	chr9:131580778-131592100	36.629	31.0467	-0.238547	0.959465
XLOC_000225	THEMIS2	chr1:28199054-28213193	0.0239477	0.0203004	-0.238379	1
XLOC_011629	ZNF829	chr19:37288451-37407193	0.00775861	0.00657725	-0.238314	1
XLOC_002402	C10orf68,CCDC7	chr10:32735040-33171792	0.627117	0.531633	-0.238304	0.908114
XLOC_001897	KIAA0907	chr1:155882835-155904188	8.06599	6.83866	-0.238139	0.711487
XLOC_005556	LOC100506844	chr12:58325231-58329947	16.2772	13.8007	-0.238112	0.790844
XLOC_018265	BRPF3	chr6:36164549-36200567	4.42537	3.75224	-0.238049	0.724988
XLOC_020491	EGFR	chr7:55086724-55275031	1.30619	1.10769	-0.23782	0.817735
XLOC_020873	ACTR3B	chr7:152456833-152552464	11.5079	9.75961	-0.237727	0.727679
XLOC_000775	TSACC	chr1:156278751-156316785	0.570074	0.483469	-0.237724	0.989748
XLOC_002503	ADAMTS14	chr10:72432558-72522195	0.00430475	0.00365079	-0.237721	1
XLOC_016953	ZNF827	chr4:146681887-146859607	0.250367	0.212336	-0.237697	1
XLOC_012715	ATG16L1	chr2:234160216-234204320	5.56337	4.71907	-0.237457	0.754666
XLOC_015747	ABHD14B	chr3:52002525-52008646	42.537	36.0836	-0.237376	0.690127
XLOC_000177	TCEB3	chr1:24069855-24104787	1.85469	1.57349	-0.237212	0.819513
XLOC_001747	LINC00622	chr1:120140324-120141914	0.181174	0.153706	-0.237203	1
XLOC_018218	CYP21A2	chr6:31973358-31981050	0.132951	0.112795	-0.237193	1

XLOC_014645	ADM2	chr22:50919984-50924866	0.00567898	0.00481824	-0.237123	1
XLOC_012447	CCNT2	chr2:135676391-135716915	2.8632	2.42926	-0.237114	0.718396
XLOC_007775	MESP1	chr15:90293097-90294540	38.5109	32.6762	-0.237029	0.763859
XLOC_017700	ANKRD31	chr5:74364121-74532703	0.0404986	0.0343652	-0.236926	1
XLOC_009467	LSMD1	chr17:7760002-7765600	56.5092	47.9535	-0.236851	0.834479
XLOC_004358	PITPNM1	chr11:67259238-67272843	14.7283	12.4985	-0.23684	0.701805
XLOC_007166	JMJD7,JMJD7-PLA2G4B,PL	chr15:42120282-42186275	20.1054	17.0655	-0.236502	0.750467
XLOC_017084	LOC100130744	chr5:14704908-14871887	0.617109	0.52381	-0.236482	0.986822
XLOC_004809	ANO6	chr12:45566816-45834187	11.6557	9.89476	-0.236294	0.700253
XLOC_013052	ANKRD23	chr2:97503650-97509758	1.72993	1.46858	-0.236285	0.866471
XLOC_022943	C9orf129	chr9:95947211-96108696	2.20133	1.86887	-0.236208	0.979701
XLOC_000635	NBPF10	chr1:145293370-145368684	0.213654	0.181414	-0.23599	1
XLOC_010485	HMG20B	chr19:3572942-3579081	113.653	96.5042	-0.235977	0.677556
XLOC_012763	SH3YL1	chr2:218135-264068	7.03673	5.97563	-0.235816	0.778996
XLOC_015538	LOC152217	chr3:196669493-196670884	27.5753	23.4173	-0.235804	0.711487
XLOC_004864	IGFBP6	chr12:53491435-53496128	203.378	172.712	-0.2358	0.689087
XLOC_023393	USP27X	chrX:49644469-49647168	1.3046	1.10792	-0.235759	0.851892
XLOC_001879	SHC1	chr1:154934773-154946955	163.82	139.127	-0.235704	0.690388
XLOC_018817	MNF1	chr6:33664537-33679528	36.1173	30.6745	-0.235649	0.69673
XLOC_003420	CD82	chr11:44587140-44641315	2.83495	2.40794	-0.235523	0.871957
XLOC_014388	C21orf58	chr21:47721046-47743785	1.83581	1.55933	-0.235491	0.86601
XLOC_014436	HIC2	chr22:21771692-21805750	1.6369	1.3904	-0.23546	0.813173
XLOC_009672	GJD3	chr17:38516904-38520945	3.37471	2.86689	-0.235276	0.806183
XLOC_014980	SGOL1-AS1	chr3:20202084-20227919	1.32837	1.1285	-0.235245	0.984927
XLOC_013056	FAHD2B	chr2:97749322-97760582	18.5505	15.7642	-0.234804	0.731633
XLOC_011530	PDE4C	chr19:18318770-18359010	0.110945	0.0942841	-0.234753	1
XLOC_014528	TOM1	chr22:35695267-35743987	18.2909	15.545	-0.234677	0.718598
XLOC_017724	RPS23	chr5:81569138-81574235	482.684	410.228	-0.234654	0.723055
XLOC_017286	SNCAIP	chr5:121647819-121814782	0.251622	0.213853	-0.23464	1
XLOC_000117	CTRC	chr1:15764937-15773153	0.0276996	0.0235421	-0.234624	1
XLOC_020621	BR13	chr7:97910978-98030427	334.744	284.507	-0.234596	0.811724
XLOC_002460	ASAH2B	chr10:52499687-52514569	0.126859	0.107823	-0.234562	1
XLOC_016392	CCNG2	chr4:78078356-78091213	7.14351	6.07159	-0.234558	0.688434
XLOC_018450	TRAF3IP2-AS1	chr6:111804674-111927477	3.82383	3.25036	-0.234418	0.972601
XLOC_011231	ZNF211	chr19:58144534-58154147	1.45976	1.24093	-0.23431	0.850615
XLOC_006826	KTN1-AS1	chr14:56042874-56046810	1.6837	1.43132	-0.234291	0.884958
XLOC_010455	RPS19	chr19:1438362-1440492	5107.1	4341.63	-0.234268	0.718193
XLOC_017523	ZNF354B	chr5:178286953-178311424	1.60217	1.36206	-0.234233	0.852287
XLOC_023550	TBC1D8B	chrX:106045918-10611937	0.585534	0.497814	-0.234147	0.895195
XLOC_016084	MAP6D1	chr3:183533663-183543393	8.12659	6.91022	-0.233917	0.778388
XLOC_000784	PEAR1	chr1:156863522-156886224	1.52637	1.29795	-0.233868	0.832722
XLOC_013927	SNTA1	chr20:31995762-32031698	17.0214	14.4745	-0.233836	0.729849
XLOC_002738	FLJ46361	chr10:124516209-12455711	0.0043423	0.00369262	-0.233813	1
XLOC_003534	TMEM132A	chr11:60691912-60719257	34.0975	28.9986	-0.233681	0.697734
XLOC_018138	ZSCAN16	chr6:28092386-28097856	5.50564	4.68238	-0.233668	0.815706
XLOC_005833	PAN3	chr13:28710979-28869475	3.92331	3.33685	-0.233584	0.740994
XLOC_000686	C1orf56	chr1:151020258-151032125	4.16363	3.54132	-0.233554	0.977103
XLOC_004462	SNORA25	chr11:93463680-93463812	2.45942	2.0921	-0.233366	1
XLOC_001354	HMGCL	chr1:24128366-24151949	38.6485	32.8781	-0.233285	0.690873
XLOC_012866	FEZ2	chr2:36779403-36825332	123.383	104.967	-0.233205	0.687203
XLOC_013907	LOC284801	chr20:26167654-26189869	0.0425945	0.0362412	-0.233037	1
XLOC_017341	KIF20A	chr5:137514416-137549032	7.29272	6.20544	-0.232923	0.8501
XLOC_004607	MSANTD2	chr11:124636393-12467025	1.76891	1.5052	-0.232904	0.869283
XLOC_008480	ZKSCAN2	chr16:25247321-25268855	1.31144	1.11597	-0.232851	0.793038
XLOC_008915	CCDC144C	chr17:20224486-20305504	0.00568183	0.00483507	-0.232819	1
XLOC_003934	SIRT3	chr11:208529-236362	12.2909	10.4596	-0.232765	0.952371
XLOC_007785	LOC100144604	chr15:93111047-93115493	0.0357495	0.0304237	-0.232728	1
XLOC_000158	NBPF3	chr1:21766620-21811393	5.7346	4.8803	-0.232722	0.732349
XLOC_007307	CPLX3	chr15:75118950-75124136	0.0807399	0.0687126	-0.232708	1
XLOC_020924	FAM220A	chr7:6369039-6388590	7.12982	6.06839	-0.232552	0.765477
XLOC_009923	AMZ2P1	chr17:62962667-62971703	1.95516	1.66426	-0.232411	0.813594
XLOC_010752	RGS9BP	chr19:33166312-33169206	0.205352	0.1748	-0.232388	1
XLOC_004473	GPR83	chr11:94110476-94134585	0.183487	0.156215	-0.232149	1
XLOC_020633	LOC100289187	chr7:99195901-99208456	1.74664	1.48705	-0.232132	0.913628
XLOC_017278	TNFAIP8	chr5:118604417-118730294	3.12339	2.65947	-0.231976	0.820463
XLOC_004935	NAB2	chr12:57482676-57505196	38.9343	33.1528	-0.231911	0.913504
XLOC_009304	METTL23	chr17:74722911-74729962	24.2862	20.6806	-0.231858	0.777374
XLOC_011999	ZNF417	chr19:58417141-58427978	0.35937	0.306047	-0.231715	0.899883
XLOC_003185	UROS	chr10:127477146-127511182	23.8962	20.3533	-0.231518	0.720295
XLOC_023837	ZNF630	chrX:47917566-47931025	0.55662	0.474129	-0.231411	0.900578
XLOC_018886	ZNF318	chr6:43303807-43337181	2.41038	2.05327	-0.23134	0.738927
XLOC_011791	BBC3	chr19:47724078-47736023	56.6096	48.2229	-0.231328	0.714703
XLOC_021997	RPS20	chr8:56980738-56987140	3962.96	3375.87	-0.231318	0.756026
XLOC_002433	ALOX5	chr10:45869623-45941567	0.0348084	0.029653	-0.231257	1
XLOC_009291	UNK	chr17:73780919-73821886	9.13702	7.78443	-0.231133	0.780695
XLOC_006843	TRMT5	chr14:61438166-61447782	4.56414	3.88876	-0.231033	0.73058
XLOC_023194	RNF208	chr9:140114698-140115775	55.5017	47.291	-0.230964	0.723154
XLOC_010103	LINC00667	chr18:5238098-5246505	3.41592	2.9106	-0.230959	0.763481
XLOC_014969	SH3BP5-AS1	chr3:15295690-15382901	0.80511	0.686034	-0.230906	0.950929

XLOC_005324	HEBP1	chr12:13127798-13153243	70.2237	59.8508	-0.230587	0.69545
XLOC_007265	C15orf61	chr15:67493012-67819641	13.0072	11.0859	-0.230587	0.937235
XLOC_014728	GUCD1	chr22:24936405-24951275	23.5877	20.1039	-0.230557	0.690479
XLOC_019143	ULBP3	chr6:150385742-150390202	2.71227	2.31179	-0.23049	0.905475
XLOC_008334	C16orf91	chr16:1469744-1470801	30.5327	26.0279	-0.230297	0.750048
XLOC_022252	RPL8	chr8:146015153-146017802	12292.3	10478.7	-0.230296	0.810878
XLOC_015468	KLHL24	chr3:183353410-183402302	2.58381	2.20269	-0.230234	0.736215
XLOC_001349	ASAP3	chr1:23755055-23810750	5.06261	4.31586	-0.230233	0.752981
XLOC_001236	RPL22	chr1:6245079-6259679	359.896	306.838	-0.230103	0.718723
XLOC_006434	ACOT1	chr14:73945188-74025651	3.16924	2.70204	-0.230086	0.959465
XLOC_006302	NOP9	chr14:24769097-24774374	2.33031	1.98687	-0.230022	0.866446
XLOC_007520	EXD1	chr15:41474930-41522895	0.0155023	0.0132185	-0.229917	1
XLOC_018163	HLA-J	chr6:29968787-30028961	1.78849	1.52511	-0.229824	0.954399
XLOC_004831	KCNH3	chr12:49932939-49952077	0.708678	0.60432	-0.229819	0.914313
XLOC_004038	TPP1	chr11:66633996-6640692	39.3114	33.5304	-0.229478	0.701805
XLOC_023255	WWC3	chrX:9983794-10112518	0.0159208	0.0135808	-0.229344	1
XLOC_005394	RACGAP1P	chr12:45456400-45459194	0.0102346	0.00873045	-0.229332	1
XLOC_009542	TBC1D28	chr17:18538841-18547740	0.0388787	0.0331648	-0.229328	1
XLOC_009806	SP6	chr17:45922279-45933240	2.66118	2.27026	-0.229205	0.819258
XLOC_000643	ANKRD35	chr1:145549208-145568522	0.00612552	0.00522571	-0.229205	1
XLOC_017565	FLJ33360	chr5:6310553-6337405	0.106512	0.0908706	-0.22913	1
XLOC_014081	HELZ2	chr20:62189438-62205592	3.00641	2.56536	-0.22888	0.790805
XLOC_010451	EFNA2	chr19:1286152-1301429	4.66034	3.97683	-0.228817	0.849027
XLOC_016446	FLJ20021	chr4:102268933-102270042	3.50812	2.99362	-0.228804	0.916838
XLOC_001701	SLC16A4	chr1:110905472-110933702	0.128459	0.109639	-0.228554	1
XLOC_023180	FBXW5	chr9:139834884-139839202	150.946	128.833	-0.228521	0.697734
XLOC_010254	ZNF236	chr18:74536115-74682682	0.746853	0.637522	-0.228348	0.835721
XLOC_010915	ZNF224	chr19:44598481-44617336	0.0449418	0.0383631	-0.228339	1
XLOC_007556	SPG11	chr15:44829265-44955876	3.63762	3.10523	-0.228296	0.885624
XLOC_002256	ARID4B	chr1:235330209-235491532	1.33114	1.13636	-0.228239	0.796801
XLOC_007284	HEXA-AS1	chr15:72635777-72671129	0.0762964	0.0651346	-0.228191	1
XLOC_006360	CGRRF1	chr14:54976586-55005334	7.6141	6.50039	-0.228148	0.799255
XLOC_005148	RNF34	chr12:121837885-121862122	9.41002	8.03374	-0.228126	0.787528
XLOC_013990	SDC4	chr20:43953928-43977064	60.9712	52.0563	-0.228055	0.714805
XLOC_006455	JDP2	chr14:75894508-75939404	7.78859	6.64989	-0.228031	0.771991
XLOC_022204	JRK	chr8:143738873-143751402	7.89171	6.73806	-0.228006	0.782186
XLOC_005397	LOC400027	chr12:46119502-46121704	6.43893	5.49784	-0.227955	0.789792
XLOC_015238	ALCAM	chr3:105085556-105295752	6.78305	5.79201	-0.227869	0.717812
XLOC_008295	SPG7	chr16:89574804-89624174	21.1321	18.0447	-0.227863	0.724424
XLOC_017903	ANXA6	chr5:150480266-150537442	52.1474	44.5422	-0.227424	0.693258
XLOC_010021	BAIAP2-AS1	chr17:79002932-79008519	2.96435	2.53205	-0.227409	0.806389
XLOC_009045	RAPGEFL1	chr17:38334241-38351906	2.77275	2.36848	-0.227361	0.817127
XLOC_004438	PRCP	chr11:82535408-82611557	39.4594	33.7085	-0.227259	0.691198
XLOC_006160	KCTD12	chr13:77454303-77460540	1.70088	1.45302	-0.227228	0.797015
XLOC_018811	RGL2	chr6:33259430-33267165	26.2493	22.4253	-0.22715	0.700075
XLOC_007115	LOC100288637	chr15:30938317-31065209	1.11758	0.954915	-0.226934	0.830693
XLOC_021133	RSBN1L-AS1	chr7:77313167-77409120	5.04039	4.3069	-0.226884	0.926225
XLOC_008723	RNF166	chr16:88762902-88772829	17.0554	14.5735	-0.226881	0.770777
XLOC_011916	ZNF836	chr19:52658124-52674896	1.73474	1.48231	-0.226871	0.835672
XLOC_004369	SUV420H1	chr11:67923506-67980784	5.63077	4.81142	-0.226869	0.778901
XLOC_006877	ADAM20P1	chr14:70935595-70950473	0.071302	0.060927	-0.22686	1
XLOC_014546	LGALS1	chr22:38071612-38075809	2279.08	1947.57	-0.226778	0.722608
XLOC_020620	BHLHA15	chr7:97841565-97842271	2.29822	1.96413	-0.226625	0.949171
XLOC_018390	BCKDHB	chr6:80816343-81055987	8.59118	7.34253	-0.226579	0.799472
XLOC_000266	ADC	chr1:33546713-33585995	3.69304	3.15642	-0.22652	0.845125
XLOC_015252	ABHD10	chr3:111697722-111712212	13.588	11.6144	-0.22642	0.718143
XLOC_011224	ZNF749	chr19:57946692-57957191	0.724029	0.618907	-0.226325	0.89239
XLOC_015060	ZNF197	chr3:44666510-44689963	2.94014	2.51326	-0.226322	0.797744
XLOC_020634	ZSCAN25	chr7:99214570-99230030	3.28821	2.81081	-0.226316	0.790283
XLOC_005360	BHLHE41	chr12:26272958-26278003	2.94701	2.5195	-0.226117	0.808353
XLOC_005275	LINC00612	chr12:9208184-9217666	0.0264098	0.022579	-0.226088	1
XLOC_016935	MGARP	chr4:140187316-140201492	0.284937	0.243622	-0.225998	1
XLOC_023689	ZNF275	chrX:152599612-152618382	3.26809	2.7946	-0.225806	0.75865
XLOC_003791	DYNC2H1	chr11:102980159-10335055	0.926989	0.792714	-0.225753	0.768789
XLOC_015967	DZIP1L	chr3:137780826-137834452	2.07798	1.777	-0.22574	0.832722
XLOC_005558	FAM19A2	chr12:62102028-62586620	0.00844531	0.00722209	-0.225733	1
XLOC_002968	TACR2	chr10:71163957-71176674	0.0166937	0.0142761	-0.22571	1
XLOC_010126	TUBB6	chr18:12308256-12326568	5.44684	4.65802	-0.225703	0.830817
XLOC_012249	BOLA3-AS1	chr2:74375107-74379516	4.26894	3.65084	-0.225648	0.956373
XLOC_022620	PRRC2B	chr9:134305476-134375572	20.6203	17.6349	-0.225625	0.689384
XLOC_009158	DLX4	chr17:48046561-48052323	0.805049	0.688568	-0.225477	0.923433
XLOC_002272	OPN3	chr1:241695433-241803702	0.164138	0.14039	-0.225469	1
XLOC_002243	EXOC8	chr1:231468481-231473572	2.27534	1.94648	-0.225211	0.796582
XLOC_008027	LAT	chr16:28996146-29002104	1.23764	1.05877	-0.225207	0.917861
XLOC_017359	TMCO6	chr5:140019011-140027372	9.42042	8.06025	-0.224967	0.950929
XLOC_007617	RPS27L	chr15:63445538-63449741	80.2918	68.7002	-0.224939	0.703567
XLOC_002080	TPR	chr1:185703682-186446652	4.68897	4.01217	-0.224886	0.863743
XLOC_000176	RPL11	chr1:24018268-24022915	4565.89	3907.13	-0.224788	0.759487
XLOC_015225	LNP1	chr3:100082302-100175172	1.75776	1.50429	-0.224652	0.986822

XLOC_002873	ZNF438	chr10:31133564-31320866	1.29183	1.10556	-0.224642	0.86815
XLOC_014304	TMEM50B	chr21:34775201-34852316	8.58368	7.34662	-0.224515	0.932264
XLOC_017537	BTNL9	chr5:180467224-18048852	2.93602	2.51289	-0.224513	0.819546
XLOC_022268	PPAPDC2	chr9:4598315-4666674	4.61138	3.94681	-0.224512	0.819455
XLOC_017065	ADAMTS16	chr5:5140442-5320412	0.00389638	0.00333514	-0.224386	1
XLOC_012137	CRIM1	chr2:36583369-36778278	9.74786	8.3445	-0.224226	0.714136
XLOC_004944	MBD6	chr12:57916658-57941114	13.3353	11.4167	-0.224106	0.935917
XLOC_022683	UAP1L1	chr9:139971952-13997899	40.1104	34.3416	-0.22402	0.716012
XLOC_007830	WFIKKN1	chr16:681011-684116	0.209188	0.179104	-0.224001	1
XLOC_005718	TBX3	chr12:115108058-1151219	1.86955	1.60076	-0.223933	0.83502
XLOC_018879	C6orf226	chr6:42858002-42858554	12.6457	10.8287	-0.223785	0.895818
XLOC_001299	FBXO42	chr1:16576558-16678948	8.25583	7.07021	-0.223661	0.752661
XLOC_003104	FBXW4	chr10:103370420-1034547	21.4356	18.3577	-0.223626	0.728031
XLOC_018752	POU5F1	chr6:31132113-31138451	0.115211	0.0986768	-0.223496	1
XLOC_008969	RAB11FIP4	chr17:29718641-29865232	4.30187	3.68533	-0.22317	0.763481
XLOC_006346	ATP5S	chr14:50779046-50792946	5.67754	4.86398	-0.223129	0.829626
XLOC_003874	TECTA	chr11:120973374-1210615	0.0740662	0.063453	-0.223126	1
XLOC_017431	GM2A	chr5:150632612-15064995	12.4449	10.6616	-0.223124	0.725802
XLOC_020748	AHCYL2	chr7:128864854-12907005	2.46636	2.11304	-0.223059	0.793112
XLOC_004012	HBE1	chr11:5289579-5291373	157.28	134.755	-0.222995	0.720523
XLOC_002250	TARBP1	chr1:234527058-23461484	4.45112	3.8139	-0.222901	0.754447
XLOC_010864	PLD3	chr19:40826966-40884390	53.2348	45.616	-0.222831	0.748077
XLOC_022051	PEX2	chr8:77892493-77913280	8.52598	7.30583	-0.222818	0.718723
XLOC_000542	AMY2B, RNPC3	chr1:104068577-10412214	3.2815	2.81219	-0.222662	0.839607
XLOC_024192	LAGE3	chrX:153705240-15370759	19.6558	16.8464	-0.222519	0.754666
XLOC_008775	ZMYND15	chr17:4643309-4649414	1.66485	1.42711	-0.222293	0.885624
XLOC_004778	FGFR10P2	chr12:27091304-27119581	7.84462	6.72444	-0.22229	0.849027
XLOC_004556	SCN2B	chr11:118033518-1180473	0.00726095	0.00622466	-0.222163	1
XLOC_009895	MED13	chr17:60019965-60142643	2.76023	2.36637	-0.222116	0.728863
XLOC_009753	COA3	chr17:40949635-40950743	58.9312	50.5254	-0.222021	0.736907
XLOC_002458	AGAP6	chr10:51748077-51770259	4.10198	3.51698	-0.221982	0.809382
XLOC_017687	GUSBP9, SMA5	chr5:69776869-69881549	0.685536	0.587794	-0.221922	0.945783
XLOC_022861	LOC642236	chr9:68427782-68454375	0.267671	0.229535	-0.221747	1
XLOC_007518	RHOV	chr15:41164411-41166487	6.14036	5.26568	-0.221703	0.848999
XLOC_004471	TAF1D	chr11:93469095-93474703	35.4558	30.4062	-0.221658	0.721145
XLOC_016911	PDE5A	chr4:120375937-12054998	0.421644	0.361613	-0.221578	0.923788
XLOC_005692	GIT2	chr12:110367606-1104341	7.37327	6.32368	-0.22154	0.816371
XLOC_021284	CADPS2	chr7:121958477-12252681	0.904289	0.775579	-0.22151	0.855712
XLOC_013764	SLCO4A1	chr20:61273796-61303647	30.9574	26.5536	-0.221374	0.73642
XLOC_015875	SPICE1	chr3:113161564-11323403	1.14577	0.982792	-0.221359	0.837041
XLOC_023173	SNHG7, SNORA17, SNORA4	chr9:139607023-13962263	450.966	386.828	-0.221327	0.748077
XLOC_017877	PLAC8L1	chr5:145463875-14548394	2.76222	2.36937	-0.221324	0.913628
XLOC_011376	FLJ22184	chr19:7933604-7939326	13.507	11.5863	-0.221288	0.750555
XLOC_012915	CLHC1	chr2:55399686-55462989	0.285817	0.245181	-0.221246	1
XLOC_002429	RASSF4	chr10:45455218-45490172	4.27803	3.67027	-0.221106	0.819681
XLOC_015111	RBM5	chr3:50126340-50156397	24.7217	21.2106	-0.220994	0.720751
XLOC_008300	CDK10	chr16:89753075-89768121	37.7649	32.4017	-0.220975	0.827718
XLOC_021805	MFSD3	chr8:145734551-14573658	52.5519	45.1008	-0.220588	0.73899
XLOC_014459	MIF	chr22:24235896-24241117	3843.16	3298.36	-0.220545	0.729625
XLOC_001808	FAM63A	chr1:150969300-15098085	5.86563	5.03486	-0.220336	0.814226
XLOC_012609	ZDBF2	chr2:207139522-20717914	0.526041	0.451543	-0.22031	0.847596
XLOC_008516	SEPT1	chr16:30389453-30411429	1.06189	0.911584	-0.220189	0.986822
XLOC_013619	TP53INP2	chr20:33292147-33301237	7.41082	6.36212	-0.220124	0.757141
XLOC_007531	VPS39	chr15:42450898-42500502	8.61936	7.40003	-0.22005	0.726892
XLOC_004922	RPL41	chr12:56510373-56511616	14098.8	12104.9	-0.219984	0.802508
XLOC_022449	ZNF169	chr9:97021577-97065291	0.745444	0.640074	-0.21986	0.895818
XLOC_006229	GRTP1	chr13:113978504-1140184	11.5664	9.93209	-0.219774	0.81342
XLOC_010800	C19orf55	chr19:36249043-36260077	1.48323	1.27368	-0.219738	0.907657
XLOC_005037	AMDHD1	chr12:96337070-96362370	0.399426	0.343016	-0.219651	0.941621
XLOC_000338	ST3GAL3	chr1:44173203-44396837	3.3876	2.90953	-0.21948	0.855173
XLOC_002883	FZD8	chr10:35927176-35930362	2.29982	1.9753	-0.219448	0.881073
XLOC_008004	TNRC6A	chr16:24741048-24837547	1.44566	1.24179	-0.219305	0.792333
XLOC_022384	FAM122A	chr9:71320615-71624091	3.08081	2.64641	-0.21927	0.81235
XLOC_013064	TSGA10	chr2:99613723-99771187	0.111828	0.096082	-0.218946	1
XLOC_017079	ANKRD33B	chr5:10564434-10657928	1.37642	1.18268	-0.21886	0.808776
XLOC_000404	DIO1	chr1:54359860-54376759	0.0187025	0.0160708	-0.218791	1
XLOC_017007	GPM6A	chr4:176554087-17692384	0.00541941	0.00465691	-0.218762	1
XLOC_005174	ATP6V0A2	chr12:124196864-1242463	1.02062	0.877108	-0.218613	0.844123
XLOC_000569	AMPD2	chr1:110162434-11017467	37.3418	32.0961	-0.218394	0.732349
XLOC_022092	RBM12B	chr8:94743730-94753224	2.79391	2.40149	-0.218355	0.787528
XLOC_000149	OTUD3	chr1:20208887-20239437	1.74875	1.5032	-0.218287	0.806843
XLOC_013477	NRSN2	chr20:327369-335512	0.339697	0.292006	-0.218249	1
XLOC_016016	TMEM14E	chr3:151980404-15218356	0.0409511	0.0352027	-0.218216	1
XLOC_021786	LOC100128338	chr8:144816309-14482850	10.4066	8.94583	-0.218213	0.764991
XLOC_003609	CDC42EP2	chr11:65082288-65089900	21.5435	18.5197	-0.218189	0.75896
XLOC_013104	LOC541471	chr2:112124590-11225269	404.4	347.116	-0.217874	0.723754
XLOC_017036	FLJ38576	chr4:187110185-18711264	0.0742131	0.0638113	-0.217863	1
XLOC_012716	SCARNA5	chr2:234160216-23420432	1.15611	0.994107	-0.217806	0.987423
XLOC_021513	R3HCC1	chr8:23145611-23153792	50.9129	43.7796	-0.217772	0.73058

XLOC_006225	ANKRD10	chr13:111530886-1115674	10.287	8.84635	-0.217674	0.766627
XLOC_019005	FBXL4	chr6:99321600-99395849	3.56011	3.06157	-0.217652	0.808353
XLOC_004179	FBNP4	chr11:47738068-47788993	9.00193	7.7415	-0.217622	0.736514
XLOC_013319	INO80D	chr2:206858444-20695090	0.568021	0.488519	-0.217527	0.822187
XLOC_015956	ACAD11,NPHP3	chr3:132276981-13259305	8.50009	7.31088	-0.217433	0.881073
XLOC_001321	AKR7A2	chr1:19629201-19638640	39.4097	33.8969	-0.217399	0.724741
XLOC_011365	FLJ25758	chr19:7004963-7006426	0.0657577	0.0565664	-0.217215	1
XLOC_008367	ERVK13-1	chr16:2708389-2723440	0.938737	0.807534	-0.217199	0.839342
XLOC_004979	MDM2	chr12:69201970-69239320	13.4974	11.6119	-0.217075	0.721145
XLOC_022386	TJP2	chr9:71736179-71870124	4.36186	3.75293	-0.216926	0.780149
XLOC_001221	LOC115110	chr1:2481358-2484284	1.22592	1.05479	-0.216917	0.908233
XLOC_005576	LOC100507250	chr12:69068150-69080639	0.280174	0.241066	-0.2169	1
XLOC_017696	ENC1	chr5:73923230-73937249	12.8711	11.0749	-0.216832	0.737639
XLOC_012660	STK16	chr2:220110191-22013691	11.8051	10.1591	-0.216635	0.947247
XLOC_017990	ZNF354A	chr5:178138521-17815770	6.32898	5.44689	-0.216539	0.775649
XLOC_010563	LOC284385	chr19:9732157-9745538	2.27337	1.95654	-0.216526	0.872554
XLOC_011234	ZNF776	chr19:58258163-58269527	1.41848	1.22101	-0.216269	0.829179
XLOC_008126	MT1F	chr16:56691854-56693215	95.1267	81.8874	-0.216209	0.797958
XLOC_018507	SNORA33	chr6:133135707-13313870	9.1374	7.86571	-0.216207	0.989514
XLOC_018803	HLA-DMB	chr6:32902405-32908847	0.0132433	0.011401	-0.216102	1
XLOC_011725	PHLDB3	chr19:43979254-44008985	10.2224	8.80063	-0.216052	0.802262
XLOC_008927	LGALS9	chr17:25958173-25976586	0.181235	0.156037	-0.215976	1
XLOC_005673	MTERFD3	chr12:107371068-1073809	3.96665	3.41562	-0.215773	0.831797
XLOC_006222	RAB20	chr13:111175412-1112140	24.8183	21.3708	-0.215769	0.783567
XLOC_009276	KCTD2	chr17:73043278-73061981	7.77078	6.69158	-0.215712	0.759977
XLOC_016070	TBL1XR1	chr3:176738541-17691504	16.7903	14.4589	-0.215676	0.726892
XLOC_000579	KCNC4	chr1:110753335-11077667	3.84394	3.3103	-0.215626	0.831797
XLOC_001190	RNF223	chr1:1007125-1009687	0.309474	0.266511	-0.215624	1
XLOC_009814	HOXB2	chr17:46620018-46622393	22.3708	19.2654	-0.215606	0.792519
XLOC_006301	GMPR2	chr14:24701647-24708447	39.8375	34.3075	-0.215603	0.729625
XLOC_017212	THBS4	chr5:79331169-79379107	0.254086	0.21883	-0.215505	1
XLOC_013183	CACNB4	chr2:152689285-15295559	0.523676	0.451086	-0.215273	0.871957
XLOC_016116	UTS2D	chr3:190984943-19111645	0.02656	0.0228808	-0.215116	1
XLOC_003167	FGFR2	chr10:123237843-1233579	0.842561	0.72589	-0.215103	0.873402
XLOC_013672	TTPAL	chr20:43104525-43123244	3.74892	3.22984	-0.215013	0.769187
XLOC_007866	SYNGR3	chr16:2039945-2044276	9.28833	8.00237	-0.21499	0.821193
XLOC_008499	C16orf54	chr16:29753785-29757340	0.00830535	0.00715589	-0.21491	1
XLOC_012498	BBS5	chr2:170336005-17036316	0.647418	0.557816	-0.214909	0.919505
XLOC_023313	MAGEB2	chrX:30233674-30238206	0.0541616	0.0466709	-0.214746	1
XLOC_019188	RNASET2	chr6:167343003-16737007	58.7264	50.6062	-0.214695	0.747687
XLOC_001338	RAP1GAP	chr1:21922707-21995856	3.98903	3.43753	-0.214666	0.829181
XLOC_002890	ZNF37BP	chr10:43008960-43048280	1.77413	1.52889	-0.214627	0.771029
XLOC_012041	ASAF2	chr2:9346893-9545812	3.15675	2.72054	-0.214545	0.789343
XLOC_012810	HS1BP3	chr2:20817563-20850864	21.4968	18.5274	-0.21446	0.747619
XLOC_005972	ZIC2	chr13:100634025-1006390	5.69944	4.91294	-0.214232	0.828589
XLOC_009368	NXN	chr17:702552-882998	10.4518	9.00974	-0.21419	0.778996
XLOC_002649	LZTS2	chr10:102756863-1027909	56.6933	48.8824	-0.213865	0.741208
XLOC_003873	TBCEL1	chr11:120894802-1209603	1.48372	1.27944	-0.213715	0.845125
XLOC_006501	COX8C	chr14:93799564-94173689	0.117815	0.1016	-0.213631	1
XLOC_012214	ETAA1	chr2:67624441-67637533	2.70155	2.32986	-0.213542	0.817795
XLOC_009235	CEP95	chr17:62503157-62534062	7.07087	6.09827	-0.213489	0.770784
XLOC_008885	NT5M	chr17:17206679-17250977	9.06999	7.82266	-0.213441	0.84294
XLOC_020554	PMS2P5	chr7:74306893-74336166	3.05334	2.63362	-0.213342	0.897631
XLOC_002615	CCNJ	chr10:97471535-97849992	3.63525	3.13579	-0.213228	0.883528
XLOC_011743	ZNF180	chr19:44979858-45004574	2.50737	2.16313	-0.21305	0.831797
XLOC_018210	C6orf48	chr6:31802692-31807541	335.54	289.517	-0.212841	0.743589
XLOC_002172	NEK2	chr1:211831598-21184897	10.9877	9.48079	-0.212809	0.771029
XLOC_004031	PRKCDBP	chr11:6340175-6341740	24.0037	20.7125	-0.212756	0.833197
XLOC_021676	PDP1	chr8:94929082-94938296	6.40494	5.52695	-0.212702	0.759967
XLOC_013184	STAM2	chr2:152973314-15303250	1.83435	1.58299	-0.212613	0.811389
XLOC_018230	LOC100294145	chr6:32861952-32871535	2.57299	2.22058	-0.21251	0.830817
XLOC_008064	ORAI3	chr16:30960404-30966259	16.7699	14.4744	-0.212373	0.773687
XLOC_023303	PKD3	chrX:24483343-24568583	6.40069	5.52473	-0.212323	0.910122
XLOC_023080	FAM129B	chr9:130267617-13034126	108.539	93.6866	-0.212299	0.748288
XLOC_008059	PHKG2	chr16:30759619-30787628	8.35337	7.21077	-0.212204	0.956711
XLOC_000842	UHMK1	chr1:162466963-16249941	10.3103	8.90017	-0.212184	0.739159
XLOC_007862	SNORA78	chr16:2014996-2015505	4.24755	3.66668	-0.212156	1
XLOC_016799	NAAA	chr4:76831807-76862166	10.2069	8.81112	-0.212148	0.806389
XLOC_007256	SLC24A1	chr15:65914269-65948598	1.08475	0.93656	-0.211916	0.873414
XLOC_001202	CCNL2	chr1:1321090-1334718	29.5533	25.5169	-0.211864	0.754753
XLOC_018711	ZSCAN31	chr6:28292514-28304152	1.13303	0.978389	-0.211703	0.885618
XLOC_022377	LOC100132352	chr9:68726540-68748372	5.34365	4.61456	-0.21163	0.854415
XLOC_023740	ARSD	chrX:2822010-2847416	4.73334	4.08758	-0.211614	0.784901
XLOC_015444	SKIL	chr3:170075472-17011463	1.15343	0.996183	-0.21145	0.830321
XLOC_017740	FAM172A	chr5:92919042-93447404	2.24616	1.94007	-0.211353	0.902851
XLOC_011154	CACNG7	chr19:54415990-54446969	0.710033	0.613324	-0.211235	0.949535
XLOC_011099	ZNF761	chr19:53935226-53961515	2.97582	2.57052	-0.211225	0.819681
XLOC_015965	MSL2	chr3:135867759-13591468	4.85177	4.19103	-0.211207	0.786804
XLOC_016332	REST	chr4:57774041-57802010	3.89746	3.36689	-0.211116	0.757627

XLOC_018408	PNRC1	chr6:89790428-89794879	29.0624	25.107	-0.211067	0.755776
XLOC_006064	N4BP2L2	chr13:33006929-33112936	14.296	12.3503	-0.211061	0.803587
XLOC_009378	RILP	chr17:1549444-1553392	21.6237	18.681	-0.211043	0.792036
XLOC_010655	UCA1	chr19:15939756-15947131	7.52273	6.49974	-0.210875	0.806888
XLOC_015582	IQSEC1	chr3:12938541-13114617	6.37302	5.50692	-0.210732	0.781066
XLOC_009043	MSL1	chr17:38278789-38293045	6.66113	5.75595	-0.210713	0.772299
XLOC_022494	FKTN	chr9:108320410-108403395	3.85026	3.32729	-0.21061	0.839213
XLOC_021323	PODXL	chr7:131185020-131241375	22.9656	19.8466	-0.210582	0.748064
XLOC_006806	PYGL	chr14:51371934-51411248	46.7392	40.3928	-0.210534	0.735838
XLOC_009999	LOC100131096	chr17:76000317-76107880	1.03126	0.891265	-0.21048	0.95534
XLOC_013691	SNX21	chr20:44462469-44486048	10.5969	9.15886	-0.210397	0.842695
XLOC_009822	HOXB9	chr17:46698518-46703835	23.9522	20.7023	-0.21037	0.744334
XLOC_017792	RAPGEF6	chr5:130759613-130970925	1.10469	0.954807	-0.210365	0.819877
XLOC_022459	LOC158435	chr9:98828120-98864194	0.00718971	0.00621425	-0.210353	1
XLOC_001262	MASP2	chr1:11086579-11107296	0.226696	0.195942	-0.210328	1
XLOC_008905	SLC5A10	chr17:18853988-18950336	0.577241	0.498936	-0.210319	0.980704
XLOC_022738	PLIN2	chr9:19115758-19127604	40.2808	34.8175	-0.210282	0.750555
XLOC_020760	MKLN1	chr7:130794854-131181395	5.4142	4.68002	-0.210233	0.753667
XLOC_010045	PCYT2	chr17:79860071-79869340	14.0181	12.1177	-0.210175	0.761115
XLOC_009121	MNPT	chr17:43920721-44105699	0.0108467	0.00937651	-0.210128	1
XLOC_006438	DAL1	chr14:74111577-74170431	0.559069	0.483301	-0.210106	0.868494
XLOC_013719	PAR6B	chr20:49348080-49370278	2.04351	1.76672	-0.209974	0.829181
XLOC_001082	ZNF678	chr1:227751219-227850164	0.478552	0.41375	-0.209916	0.868469
XLOC_009062	FKBP10	chr17:39968961-39979469	125.527	108.535	-0.209841	0.749348
XLOC_005154	BCL7A	chr12:122459860-12249995	8.37956	7.24532	-0.209825	0.78079
XLOC_023692	ATP2B3	chrX:152801579-15284838	0.0032633	0.00282173	-0.209755	1
XLOC_004952	TSPAN31	chr12:58138783-58146230	7.64578	6.61154	-0.209677	0.987334
XLOC_002138	EIF3E	chr8:109213971-10926095	736.617	637.002	-0.209618	0.774191
XLOC_021759	ZFAT-AS1	chr8:135490030-13572529	0.107853	0.0932804	-0.209426	1
XLOC_017847	SPATA24	chr5:138732455-13873977	1.88068	1.6266	-0.209391	0.935062
XLOC_007263	SMAD3	chr15:67358194-67487533	5.0144	4.33704	-0.209366	0.765568
XLOC_013844	TMEM230	chr20:5080483-5093733	63.385	54.8275	-0.209241	0.738368
XLOC_018594	LOC100289495	chr6:166756118-16676495	0.266081	0.225496	-0.209189	1
XLOC_002999	MYOZ1	chr10:75391369-75401515	0.0124333	0.0107557	-0.209109	1
XLOC_024041	NKAP	chrX:119059012-11907773	18.5928	16.0841	-0.209102	0.776981
XLOC_007315	NEIL1	chr15:75639330-75647592	9.39105	8.12418	-0.209063	0.838994
XLOC_002747	LHPP	chr10:126150340-1263027	11.0303	9.54249	-0.20904	0.828589
XLOC_014376	LINC00163	chr21:46409778-46414001	0.0125141	0.0108263	-0.209019	1
XLOC_005788	STX2	chr12:131274144-1313238	4.26236	3.68754	-0.208994	0.804229
XLOC_016664	ACOX3	chr4:8368008-8442452	5.3217	4.60513	-0.208646	0.827026
XLOC_009454	PHF23	chr17:7138346-7142825	17.7963	15.4014	-0.208513	0.772218
XLOC_003814	C11orf1	chr11:111744779-11175475	19.7197	17.0671	-0.208421	0.831797
XLOC_005570	GRIP1	chr12:66741210-67072925	0.350568	0.303415	-0.208404	0.913628
XLOC_013878	RALGAPA2	chr20:20370271-20693266	1.22711	1.06208	-0.20836	0.825249
XLOC_007692	FAM219B	chr15:75192327-75199462	9.11974	7.89341	-0.208344	0.769146
XLOC_012206	LGALS1	chr2:64681326-64688517	6.04791	5.23489	-0.208278	0.782305
XLOC_015614	NGLY1	chr3:25760434-25831530	18.1508	15.7108	-0.208277	0.74878
XLOC_015037	RPL14	chr3:40498782-40503863	3178.38	2751.16	-0.208252	0.790283
XLOC_003769	ANKRD49	chr11:94227152-94232744	5.83116	5.04752	-0.208209	0.810878
XLOC_003670	TCIRG1	chr11:67806461-67818366	39.1472	33.8867	-0.208191	0.752244
XLOC_005596	OSBPL8	chr12:76745577-76953589	3.61872	3.13265	-0.208096	0.773848
XLOC_011586	CEP89	chr19:33369903-33462869	2.4056	2.08282	-0.207855	0.860283
XLOC_018982	SNHG5	chr6:86386724-86388451	1336.37	1157.08	-0.207832	0.735482
XLOC_001182	LOC100133331	chr1:661138-665731	0.760679	0.658678	-0.207714	0.918898
XLOC_004449	FZD4	chr11:86656716-86666440	0.867695	0.751366	-0.207671	0.860589
XLOC_010503	TNFAIP8L1	chr19:4639526-4655580	6.60848	5.72291	-0.20757	0.797015
XLOC_000466	MSH4	chr1:76262555-76378923	0.570385	0.493963	-0.207531	0.913628
XLOC_009886	HEATR6	chr17:58120551-58156292	3.46504	3.00081	-0.207521	0.811632
XLOC_003573	RARRES3	chr11:63014620-63330855	0.055397	0.0479795	-0.20739	1
XLOC_009076	CNTNAP1	chr17:40834631-40852011	7.56974	6.55652	-0.207312	0.780616
XLOC_013673	PKIG	chr20:43160435-43247678	26.4596	22.9198	-0.207195	0.79103
XLOC_004296	RCOR2	chr11:63678692-63684316	13.767	11.9265	-0.207048	0.792482
XLOC_013788	ABHD16B	chr20:62492565-62494341	12.608	10.9225	-0.207039	0.865626
XLOC_001438	ZMYM6NB	chr1:35447126-35450948	35.9034	31.1049	-0.206981	0.783224
XLOC_013374	ABCB6	chr2:220074487-22008371	10.9706	9.50441	-0.206971	0.797015
XLOC_023496	SH3BGRL	chrX:80369199-80554046	18.5417	16.0638	-0.206962	0.807864
XLOC_024205	CMC4,MTCP1	chrX:154289899-15429954	14.7214	12.7552	-0.206831	0.850823
XLOC_009221	TANC2	chr17:60778674-61505067	1.81027	1.56863	-0.2067	0.79485
XLOC_020816	CTAGE15P	chr7:143268893-14327148	0.172277	0.14932	-0.206323	1
XLOC_014398	BCL2L13	chr22:18121349-18213621	5.0934	4.41487	-0.206258	0.781375
XLOC_018816	LINC00336	chr6:33551475-33561115	0.0177752	0.0154073	-0.206248	1
XLOC_010213	ONECUT2	chr18:55102916-55158530	0.368698	0.319633	-0.206022	0.859569
XLOC_016173	FGFR3	chr4:1795038-1810599	4.67232	4.05061	-0.205999	0.822719
XLOC_010562	ZNF177,ZNF559,ZNF559-Z1	chr19:9434447-9493293	2.81613	2.44158	-0.2059	0.852163
XLOC_013297	RFTN2	chr2:198435526-198540584	0.0326734	0.0283279	-0.205892	1
XLOC_023711	GDI1	chrX:153665258-15367181	51.2906	44.4713	-0.205821	0.749883
XLOC_011657	FBXO27	chr19:39514662-39523198	0.10941	0.094874	-0.205656	1
XLOC_012031	RPS7	chr2:3622852-3628509	4557.52	3952.03	-0.205654	0.797744
XLOC_003701	ATG16L2	chr11:72525450-72540680	18.4949	16.0385	-0.205591	0.791515

XLOC_020495	GBAS	chr7:56032269-56067875	26.3261	22.8302	-0.205552	0.752993
XLOC_013952	NDRG3	chr20:35280168-35374541	6.42303	5.57029	-0.205503	0.797744
XLOC_014417	ZDHHC8	chr22:20119363-20135530	11.255	9.76165	-0.205367	0.774577
XLOC_003641	TMEM151A	chr11:66059372-66064135	0.0290345	0.0251843	-0.205242	1
XLOC_020461	STK17A	chr7:43622691-43666978	6.39994	5.55135	-0.20522	0.783567
XLOC_011793	MEIS3	chr19:47906374-47922785	66.9059	58.0366	-0.20517	0.747687
XLOC_014905	PLXNB2	chr22:50713407-50746001	24.4149	21.181	-0.204993	0.756069
XLOC_012169	SOCS5	chr2:46926098-46989927	1.63048	1.41466	-0.204843	0.852072
XLOC_015327	H1FX-AS1	chr3:129033613-129043411	0.548616	0.475999	-0.204837	0.99316
XLOC_006361	SAMD4A	chr14:55034329-55260033	2.98971	2.59399	-0.204836	0.817127
XLOC_000088	CLCN6	chr1:11845786-11907840	2.73951	2.37704	-0.204754	0.915356
XLOC_009355	NARF	chr17:80416059-80446143	85.8548	74.4959	-0.204738	0.752793
XLOC_018490	RNF146	chr6:127587826-127609705	6.83589	5.93152	-0.204727	0.819877
XLOC_018011	ZFP62	chr5:180274610-180288286	2.30816	2.00285	-0.204684	0.826204
XLOC_011431	DOCK6	chr19:11309968-11373168	11.9714	10.3885	-0.204604	0.759967
XLOC_020720	FEZF1-AS1	chr7:121941447-121950131	2.73158	2.37052	-0.204533	0.894319
XLOC_010554	MARCH2	chr19:8478186-8503899	14.5766	12.6516	-0.204338	0.827004
XLOC_018852	SAYSD1	chr6:39071839-39082865	4.35513	3.78048	-0.204148	0.855539
XLOC_002829	PPIAP30	chr10:15147770-15210695	0.10174	0.0883245	-0.204003	1
XLOC_002835	CUBN	chr10:16865964-17171816	0.514526	0.446689	-0.203974	0.860562
XLOC_001514	TESK2	chr1:45794913-45956840	2.502	2.17227	-0.203875	0.965148
XLOC_000215	TRNP1	chr1:27320194-27327377	15.0227	13.0443	-0.203725	0.808353
XLOC_011752	ERCC2	chr19:45843997-45873845	25.6963	22.3124	-0.203712	0.869898
XLOC_007117	FAN1	chr15:31196054-31283807	3.38336	2.93807	-0.20359	0.877263
XLOC_022044	RPL7	chr8:74202873-74205869	7067.94	6137.91	-0.203542	0.84262
XLOC_011050	NR1H2	chr19:50879679-50886285	38.6937	33.6034	-0.203492	0.7741
XLOC_020983	HOXA11	chr7:27220775-27224835	5.93854	5.15751	-0.203433	0.827184
XLOC_006837	CCDC175	chr14:59951160-60043549	0.41715	0.362296	-0.203395	0.989411
XLOC_012940	PEL1	chr2:64319785-64371605	1.89982	1.65004	-0.203365	0.855173
XLOC_021108	STX1A	chr7:73113534-73134017	19.1109	16.5999	-0.203219	0.7854
XLOC_013750	FAM217B	chr20:58508818-58523702	2.07669	1.80387	-0.203189	0.884394
XLOC_013636	C20orf118	chr20:35504569-35580246	0.0366766	0.0318592	-0.203149	1
XLOC_018144	ZKSCAN3	chr6:28317690-28336954	0.86206	0.748916	-0.202984	0.894473
XLOC_010545	LRRC8E	chr19:7953389-7966908	15.9489	13.857	-0.202843	0.768301
XLOC_011004	NUCB1	chr19:49403306-49426540	111.637	97.0018	-0.202727	0.764949
XLOC_014944	IRAK2	chr3:10206562-10285427	1.20514	1.04725	-0.202584	0.901921
XLOC_001998	CD247	chr1:167399876-167487847	0.0123796	0.0107578	-0.202581	1
XLOC_003976	CDKN1C	chr11:2904447-2906995	12.6851	11.0233	-0.202576	0.854415
XLOC_006958	DICER1	chr14:95552564-95623759	1.72615	1.50003	-0.20257	0.799255
XLOC_018201	APOM	chr6:31606804-31625987	3.59642	3.12529	-0.20257	0.993379
XLOC_007375	SCAND2P	chr15:85174690-85185694	2.52552	2.19491	-0.20242	0.8433
XLOC_015112	SEMA3F	chr3:50192847-50226508	5.49793	4.77865	-0.202287	0.831511
XLOC_006143	VPS36	chr13:52986736-53024763	4.30447	3.74166	-0.202157	0.797015
XLOC_006663	PACS2	chr14:105675622-10586448	10.3007	8.95392	-0.202146	0.917379
XLOC_016163	MYL5	chr4:671710-682973	6.47042	5.62499	-0.202007	0.907689
XLOC_009655	RPL23	chr17:37006320-37010053	4779.37	4155.96	-0.20164	0.800595
XLOC_023419	TSPYL2	chrX:53111541-53117728	13.452	11.6978	-0.201587	0.781066
XLOC_011486	DNAJB1	chr19:14625581-14629201	82.0022	71.3101	-0.201557	0.778996
XLOC_004415	GDPD5	chr11:75145684-75236599	8.85491	7.70044	-0.201536	0.812587
XLOC_021807	ZNF517	chr8:146024260-146034525	6.6016	5.74117	-0.201472	0.8586
XLOC_021200	ZNF3	chr7:99647416-99679371	18.7476	16.3067	-0.201248	0.819258
XLOC_019008	PNISR	chr6:99847840-99873207	6.53404	5.68361	-0.201167	0.797015
XLOC_003102	POLL	chr10:103338638-10334802	23.3627	20.324	-0.201021	0.78079
XLOC_003931	LOC283177	chr11:134306375-13437555	0.023598	0.0205289	-0.201011	1
XLOC_022756	KLHL9	chr9:21331017-21335429	7.27995	6.3332	-0.200994	0.78079
XLOC_016053	ACTRT3	chr3:169484710-169487683	1.36438	1.18696	-0.200973	0.914484
XLOC_020851	LOC728743	chr7:150102839-150109558	0.953174	0.829242	-0.200945	0.919186
XLOC_000415	LOC100507634	chr1:55681080-55683128	0.635423	0.552854	-0.20082	0.945946
XLOC_005371	CAPRIN2	chr12:30862485-30907448	20.7313	18.0381	-0.200759	0.778392
XLOC_014090	SAMD10	chr20:62605465-62610995	3.74094	3.25497	-0.200756	0.884981
XLOC_001189	HES4	chr1:934341-935552	83.4287	72.5911	-0.200751	0.81342
XLOC_004414	KLHL35	chr11:75133437-75141674	14.1785	12.3379	-0.200607	0.840026
XLOC_012148	ARHGEF33	chr2:39146503-39202590	0.0223325	0.0194364	-0.200386	1
XLOC_002621	FRAT1	chr10:99079021-99081672	4.17817	3.6364	-0.20036	0.879301
XLOC_004324	LOC254100	chr11:65336690-65337884	0.784266	0.682614	-0.200272	0.959063
XLOC_015207	CRYBG3	chr3:97540883-97691295	0.293174	0.255179	-0.20025	1
XLOC_007855	MAPK8IP3	chr16:1756220-1820318	9.26318	8.0629	-0.200209	0.783569
XLOC_006775	SLC25A21	chr14:37147125-37642998	0.95567	0.831942	-0.200209	0.922312
XLOC_016910	FLJ14186	chr4:120326677-120331815	1.92757	1.67821	-0.199864	0.877493
XLOC_023829	CXorf31	chrX:46746853-46759139	0.139143	0.121148	-0.199801	1
XLOC_017328	C5orf24	chr5:134181369-134195425	5.2323	4.55579	-0.199745	0.789193
XLOC_010193	CTIF	chr18:46065426-46389586	11.0536	9.62586	-0.199533	0.773641
XLOC_011087	ZNF578	chr19:52956828-53020131	1.56543	1.36327	-0.199489	0.832935
XLOC_000912	CEP350	chr1:179923907-180084015	1.24137	1.08106	-0.199487	0.81082
XLOC_000987	ATP2B4	chr1:203595914-203713205	1.83083	1.59445	-0.199443	0.827718
XLOC_010881	BCKDHA	chr19:41903693-41930910	111.466	97.0877	-0.199241	0.760503
XLOC_022764	CDKN2B	chr9:21994789-22121093	3.0928	2.69432	-0.198991	0.844285
XLOC_007670	PKM	chr15:72491369-72523727	1380.71	1202.82	-0.198983	0.822663
XLOC_022482	ZNF189	chr9:104161162-104172942	5.58266	4.86365	-0.198914	0.802478

XLOC_018781	DOM3Z	chr6:31937587-31949223	11.0864	9.65863	-0.198906	0.877493
XLOC_021233	ALKBH4	chr7:102073976-102105321	12.3686	10.7776	-0.198644	0.922006
XLOC_005251	CDCA3	chr12:6957971-6960456	29.0298	25.2965	-0.198594	0.799084
XLOC_002860	LRRC37A6P	chr10:27534781-27541235	0.0046542	0.00405593	-0.198503	1
XLOC_014627	PPARA	chr22:46546498-46639653	1.14625	0.998911	-0.198491	0.841149
XLOC_006974	BEGAIN	chr14:101003483-10103613	3.81219	3.32281	-0.198217	0.883007
XLOC_004320	FAU	chr11:64888098-64902003	2130.87	1857.55	-0.198039	0.823458
XLOC_008050	ZNF48	chr16:30389453-30411429	11.8476	10.3285	-0.197964	0.798573
XLOC_016267	C4orf52	chr4:25915813-25931501	32.6678	28.4811	-0.197863	0.796801
XLOC_018059	SIRT5	chr6:13574760-13615390	4.52322	3.94367	-0.197813	0.841091
XLOC_023625	ZNF449	chrX:134478695-134497331	0.61627	0.53731	-0.197809	0.905198
XLOC_021004	RP9P	chr7:32956426-32982782	9.25199	8.06702	-0.197728	0.84112
XLOC_016313	SNORA26	chr4:53578620-53580305	19.685	17.164	-0.19771	0.990315
XLOC_024200	GAB3	chrX:153903526-153979341	0.00944123	0.00823231	-0.197678	1
XLOC_007418	CHD2	chr15:93443550-93571237	6.77731	5.90957	-0.197658	0.830569
XLOC_020611	CASD1	chr7:94139169-94186328	3.87898	3.38239	-0.197633	0.826634
XLOC_012886	COX7A2L	chr2:42577644-42588356	118.336	103.188	-0.197613	0.769105
XLOC_006410	PLEKHH1	chr14:68000007-68067017	2.04428	1.78284	-0.197411	0.929635
XLOC_012183	C2orf73	chr2:54558070-54588714	0.00675516	0.0058918	-0.19728	1
XLOC_011883	KLK6	chr19:51461886-51472929	0.0144901	0.0126391	-0.197173	1
XLOC_013808	SLC52A3	chr20:740723-749228	0.00912776	0.00796187	-0.197153	1
XLOC_001359	IL22RA1	chr1:24446260-24469775	0.705464	0.61537	-0.197118	0.931471
XLOC_005658	LINC00485	chr12:103203060-10321817	0.00390226	0.00340401	-0.197073	1
XLOC_005837	USPL1	chr13:31191829-31233686	3.16538	2.76132	-0.197022	0.829791
XLOC_022349	LOC100506710	chr9:37079892-37090398	7.03536	6.13772	-0.196923	0.78844
XLOC_003232	RPLP2	chr11:809935-812876	7396.96	6453.41	-0.196871	0.805942
XLOC_002140	DSTY2	chr1:205111630-205180727	1.84169	1.60676	-0.196871	0.828583
XLOC_003653	RHOD	chr11:66824288-66839488	73.5435	64.1659	-0.196791	0.783567
XLOC_003659	RAD9A	chr11:67159422-67169376	6.25274	5.45577	-0.196706	0.987627
XLOC_012053	PQLC3	chr2:11295539-11318998	8.65221	7.55011	-0.196657	0.832722
XLOC_006842	SIX4	chr14:61176255-61190852	1.93937	1.69237	-0.196543	0.830817
XLOC_023762	GEMIN8	chrX:14024844-14048035	7.30118	6.37159	-0.196475	0.813829
XLOC_005089	UBE3B	chr12:109915427-10997457	6.87238	5.9976	-0.196424	0.880041
XLOC_002168	SERTAD4-AS1	chr1:210404803-210416441	4.81176	4.19932	-0.196407	0.92385
XLOC_017316	CCN2	chr5:132083136-132113567	0.0181182	0.0158123	-0.196391	1
XLOC_018330	RUNX2	chr6:44794466-45518819	1.77447	1.54868	-0.196351	0.949127
XLOC_020884	LOC645249	chr7:156803550-156809111	15.5162	13.5422	-0.196306	0.863259
XLOC_010767	UBA2	chr19:34919267-34960798	23.3192	20.3541	-0.1962	0.774623
XLOC_002879	NRP1	chr10:33466418-33623833	1.23403	1.07725	-0.196024	0.916105
XLOC_015315	ABTB1	chr3:127391780-127399761	18.6879	16.3144	-0.19596	0.811389
XLOC_004117	SVIP	chr11:22843597-22851382	7.5511	6.59306	-0.195738	0.844829
XLOC_008003	RBBP6	chr16:24550907-24584183	8.02213	7.00547	-0.195504	0.898751
XLOC_023878	IQSEC2	chrX:53262057-53350522	8.27673	7.22819	-0.195427	0.897825
XLOC_013340	LANCL1	chr2:211295972-211341491	4.93674	4.31144	-0.195388	0.819258
XLOC_011682	SERTAD3	chr19:40946747-40950282	17.1301	14.9604	-0.195383	0.823458
XLOC_005268	FAM90A1	chr12:8373855-8380214	0.564114	0.492703	-0.19527	0.945783
XLOC_000781	RRNAD1	chr1:156698262-156706757	14.1406	12.3513	-0.195189	0.806781
XLOC_004983	FRS2	chr12:69864128-69973562	2.06933	1.80761	-0.195082	0.825067
XLOC_006329	MIPOL1	chr14:37667117-38020464	0.309467	0.270334	-0.195039	1
XLOC_003402	FJX1	chr11:35639734-35642421	29.8555	26.0813	-0.194983	0.786806
XLOC_004795	METTL20	chr12:31800093-31822016	0.343411	0.300017	-0.194892	1
XLOC_010822	HKR1	chr19:37825579-37855357	7.24627	6.33105	-0.194794	0.813454
XLOC_012194	REL	chr2:61108751-61150178	0.153918	0.134479	-0.194775	1
XLOC_008319	C16orf13	chr16:684428-686347	171.992	150.273	-0.194755	0.79485
XLOC_000654	NBPF15,NBPF16	chr1:148558187-148596267	6.3773	5.57294	-0.194507	0.799762
XLOC_003994	TRIM68	chr11:4619901-4629489	1.08077	0.94454	-0.194378	0.909016
XLOC_019059	MCM9	chr6:119134611-119256327	0.912354	0.797355	-0.194372	0.965573
XLOC_004351	POLD4	chr11:67085309-67159158	26.9947	23.5926	-0.194342	0.830817
XLOC_014125	GRIK1-AS2	chr21:30909253-31312282	0.120727	0.105518	-0.194263	1
XLOC_012563	MFSO6	chr2:191273080-191367047	1.91659	1.67526	-0.194158	0.855212
XLOC_001145	LOC149134	chr1:246952918-246954781	1.3451	1.17577	-0.194113	0.945946
XLOC_020514	ZNF92	chr7:64838767-64865998	1.84803	1.61552	-0.193989	0.872117
XLOC_020758	MEST	chr7:130126015-130371401	13.7447	12.0157	-0.193962	0.897241
XLOC_001260	CASZ1	chr11:10696665-10856733	2.08003	1.81851	-0.193848	0.882983
XLOC_014530	HMOX1	chr22:35777059-35790207	52.5514	45.9458	-0.193796	0.782574
XLOC_018880	PEX6	chr6:42928499-42946981	7.25636	6.34454	-0.193731	0.832448
XLOC_009425	INCA1	chr17:4891424-4900905	0.639341	0.559023	-0.193679	0.95534
XLOC_010477	GNA11	chr19:3094407-3121454	8.53807	7.46565	-0.193643	0.875204
XLOC_004932	RBMS2	chr12:56915608-57030163	8.01652	7.01012	-0.193537	0.910317
XLOC_017056	CEP72	chr5:612404-653666	7.23967	6.33113	-0.193463	0.844212
XLOC_010963	NPAS1	chr19:47524142-47549017	2.15303	1.88294	-0.193388	0.929536
XLOC_015655	ZNF445	chr3:44481261-44519162	1.1716	1.02464	-0.193364	0.842695
XLOC_012820	PTRHD1	chr2:25013135-25142055	53.902	47.1409	-0.19336	0.959465
XLOC_021113	GTF2IRD2	chr7:74210483-74267841	0.101278	0.0885818	-0.193244	1
XLOC_003360	SPTY2D1-AS1	chr11:18621350-18656020	0.0433144	0.0378864	-0.193166	1
XLOC_008281	ZFPM1	chr16:88520013-88601574	2.45762	2.1497	-0.193127	0.917627
XLOC_0021387	ZNF746	chr7:149169883-149194891	12.4493	10.8895	-0.19312	0.793371
XLOC_000602	MAGI3	chr1:113933474-114228541	0.463715	0.405696	-0.192836	0.906626
XLOC_005072	C12orf75	chr12:105724413-10576521	26.7741	23.4253	-0.192773	0.800703

XLOC_015007	PDCD6IP	chr3:33840062-33911199	16.6396	14.5584	-0.192768	0.770784
XLOC_004929	COQ10A	chr12:56660641-56664750	13.5352	11.8425	-0.192752	0.827718
XLOC_013241	ATF2	chr2:175936977-176032934	4.57151	3.99989	-0.19271	0.819681
XLOC_004410	XRRA1	chr11:74459912-74660232	10.2988	9.01196	-0.192556	0.819258
XLOC_006980	CINP	chr14:102814618-10282921	27.2569	23.8518	-0.192523	0.817735
XLOC_000007	KLHL17	chr1:895966-901099	15.9935	13.9956	-0.192518	0.821323
XLOC_003887	VWA5A	chr11:123986110-12401761	3.64644	3.19098	-0.192491	0.852672
XLOC_001387	AHDC1	chr1:27860755-27930143	1.549	1.35552	-0.192489	0.891994
XLOC_015706	QARS	chr3:49133364-49142562	96.9326	84.828	-0.192441	0.778388
XLOC_014000	ACOT8	chr20:44462469-44486048	19.0005	16.6278	-0.19244	0.92969
XLOC_006872	LOC100289511	chr14:70232999-70238722	0.0656569	0.0574599	-0.192392	1
XLOC_001986	RGS5	chr1:163112088-163291581	0.421489	0.36888	-0.192344	0.956752
XLOC_018829	TCP11	chr6:35085848-35109187	0.0398168	0.0348476	-0.19232	1
XLOC_002527	TRIM32	chr9:119187503-120177311	8.2916	7.25681	-0.192316	0.830445
XLOC_000900	RASAL2	chr1:178060642-178448648	0.832185	0.728345	-0.192281	0.858101
XLOC_022272	JAK2	chr9:4985244-5128183	0.375771	0.328976	-0.191872	0.920028
XLOC_017313	RAD50	chr5:131892615-131980311	2.93221	2.56709	-0.191858	0.813829
XLOC_009086	RUNDC1	chr17:41132581-41145707	5.38207	4.712	-0.19182	0.830384
XLOC_009744	STAT5B	chr17:40351194-40428424	8.13325	7.12095	-0.191761	0.79912
XLOC_003003	ZSWIM8-AS1	chr10:75545381-75561556	3.17595	2.78068	-0.191754	0.969963
XLOC_008287	CDT1	chr16:88870185-88875666	77.3812	67.7525	-0.19171	0.778908
XLOC_003719	SNORD15B	chr11:75110534-75133345	17.9604	15.7264	-0.191636	0.993379
XLOC_022719	ERMP1	chr9:5784571-5833081	4.69201	4.10875	-0.191505	0.811389
XLOC_015161	RPP14	chr3:58291971-58305920	6.17532	5.40774	-0.191488	0.827004
XLOC_023438	ZXDB	chrX:57618268-57623910	4.2781	3.74702	-0.191226	0.821493
XLOC_023166	SDCCAG3	chr9:139296373-139305054	112.087	98.1803	-0.191115	0.784181
XLOC_006257	ANG, RNASE4	chr14:21152335-21168758	25.8461	22.6399	-0.191078	0.842533
XLOC_019136	LATS1	chr6:149979288-150039391	2.27127	1.9898	-0.190879	0.904448
XLOC_009579	TLCD1	chr17:27046999-27053949	13.4769	11.807	-0.190847	0.989365
XLOC_017663	IL6ST	chr5:55230924-55290821	2.63088	2.3049	-0.19084	0.800452
XLOC_021982	CEBPD	chr8:48649475-48650726	32.8522	28.7856	-0.19064	0.847596
XLOC_017769	MCC	chr5:112312406-112824521	0.0328957	0.0288242	-0.190617	1
XLOC_008038	MVP, PAGR1	chr16:29827527-29859360	26.7099	23.4084	-0.190352	0.797816
XLOC_002115	SYT2	chr1:202559724-202679551	0.0141646	0.0124148	-0.190228	1
XLOC_003246	KRTAP5-6	chr11:1490684-1785501	0.0595168	0.0521664	-0.190178	1
XLOC_012223	ANXA4	chr2:69969126-70053596	19.9815	17.5144	-0.190118	0.796801
XLOC_005595	BBS10	chr12:76738265-76742222	2.30393	2.01951	-0.190088	0.869283
XLOC_021267	IMMP2L	chr7:110303105-111202571	12.7799	11.2022	-0.190086	0.831215
XLOC_016279	KLF3	chr4:38614321-38703129	3.18296	2.79026	-0.18997	0.821654
XLOC_012101	LOC100505624	chr2:27548715-27579901	0.067463	0.0591404	-0.189951	1
XLOC_008952	TAOK1	chr17:27717942-27878921	3.57792	3.13657	-0.189933	0.793371
XLOC_017932	CCNLJ	chr5:159678670-159739571	6.90916	6.05691	-0.189927	0.830184
XLOC_014069	TCFL5	chr20:61448413-61493115	7.20658	6.31778	-0.189896	0.942878
XLOC_021354	KIAA1147	chr7:141356527-141401951	3.77508	3.3095	-0.189895	0.811724
XLOC_006711	AJUBA	chr14:23440409-23451848	13.0383	11.4316	-0.18973	0.797744
XLOC_003686	KRTAP5-7	chr11:71238312-71239210	0.0296736	0.026021	-0.189501	1
XLOC_013666	TOX2	chr20:42543491-42698254	11.9425	10.4725	-0.189494	0.830101
XLOC_001811	LYSDM1	chr1:151129104-151148541	2.04073	1.78963	-0.18942	0.966946
XLOC_013029	LOC285074	chr2:87257797-87303536	12.9859	11.3893	-0.189265	0.821226
XLOC_011250	ZNF324	chr19:58978411-58984945	4.86026	4.26326	-0.189078	0.863873
XLOC_022236	DGAT1	chr8:145515269-145550561	32.7927	28.7681	-0.188906	0.941528
XLOC_021496	EPB49	chr8:21911080-21940036	20.6177	18.0878	-0.188868	0.806843
XLOC_006683	TEP1	chr14:20833825-20881579	1.11304	0.976522	-0.188788	0.852163
XLOC_005104	ACAD10	chr12:112123856-11219491	2.24981	1.9739	-0.188756	0.876899
XLOC_008442	NOMO2	chr16:18511181-18573434	0.873234	0.76626	-0.188535	0.912776
XLOC_000854	POGK	chr1:166808723-166823708	13.9508	12.2428	-0.188424	0.788402
XLOC_009116	FMNL1	chr17:43299291-43324683	0.0133618	0.0117259	-0.188421	1
XLOC_004652	ITFG2	chr12:2921786-2934237	3.85729	3.38511	-0.188387	0.873144
XLOC_014735	HPS4	chr22:26846848-26879829	6.53496	5.73519	-0.188337	0.820463
XLOC_008974	LRRC37B	chr17:30348154-30380519	1.97372	1.73237	-0.18817	0.900578
XLOC_014942	BRK1	chr3:10157332-10168874	89.0872	78.1981	-0.188086	0.788214
XLOC_015370	SLC25A36	chr3:140660661-140698781	14.8185	13.0088	-0.187913	0.790283
XLOC_015592	SH3BP5	chr3:15295690-15382901	6.79922	5.96889	-0.187908	0.845125
XLOC_011589	CEBPA	chr19:33790839-33793430	24.6068	21.602	-0.187892	0.819681
XLOC_000372	FAAH	chr1:46859938-46879520	9.36727	8.22413	-0.187765	0.851389
XLOC_014901	TUBGCP6	chr22:50656117-50683400	6.0106	5.27729	-0.187712	0.824676
XLOC_009827	TTTTL6	chr17:46839592-46894469	0.0372891	0.0327419	-0.187616	1
XLOC_010668	SIN3B	chr19:16940208-16991164	8.75755	7.68963	-0.187613	0.81342
XLOC_012167	RHOQ	chr2:46769866-46844251	15.8241	13.8949	-0.187572	0.844123
XLOC_004366	FAM86C2P	chr11:67559237-67572807	1.01338	0.889872	-0.187512	0.935939
XLOC_022874	PTFR1	chr9:72324437-72374876	1.55999	1.36986	-0.187508	0.833147
XLOC_010610	ZNF791	chr19:12721731-12740676	1.19958	1.05341	-0.187462	0.913628
XLOC_003108	KCNIP2	chr10:103578824-10360361	0.154327	0.135523	-0.187454	1
XLOC_011016	CD37	chr19:49838676-49865714	0.0762146	0.0669297	-0.187421	1
XLOC_000871	GORAB	chr1:170501262-170522974	1.99794	1.7546	-0.187371	0.888528
XLOC_021285	RNF133	chr7:121958477-122526811	0.0100555	0.00883081	-0.187363	1
XLOC_009420	CHRNE	chr17:4736634-4806369	4.08134	3.58428	-0.187359	0.978566
XLOC_012170	LOC388948	chr2:47043806-47049799	0.0176827	0.0155293	-0.187344	1
XLOC_022613	PRDM12	chr9:133539980-133558384	1.6905	1.48464	-0.18734	0.92969

XLOC_007173	CCNDP1	chr15:43477465-43489375	11.4269	10.0374	-0.187049	0.799762
XLOC_003685	NADSYN1	chr11:71164216-71212581	33.0133	28.9993	-0.18703	0.790844
XLOC_015068	CLEC3B	chr3:45067758-45077563	1.52062	1.33584	-0.18691	0.958814
XLOC_018942	GUSBP4	chr6:58246158-58287724	0.473678	0.416144	-0.186824	0.974018
XLOC_001884	MUC1	chr1:155158299-155162706	3.72212	3.27017	-0.186758	0.906895
XLOC_018377	KCNQ5	chr6:73331570-73908573	0.00232927	0.00204646	-0.186748	1
XLOC_000694	CGN	chr1:151483861-151511161	2.00367	1.76056	-0.186611	0.877493
XLOC_015911	CCDC14	chr3:123632273-123680251	4.7681	4.1896	-0.186603	0.827215
XLOC_002535	ZMIZ1	chr10:80828791-81076285	1.83855	1.61562	-0.186486	0.866932
XLOC_010243	SOCS6	chr18:67956136-67997434	2.44954	2.15264	-0.186403	0.845125
XLOC_001545	RAB3B	chr1:52373627-52456436	3.12445	2.74576	-0.186396	0.805942
XLOC_008522	ZNF688	chr16:30581018-30583728	6.08431	5.34732	-0.186277	0.917325
XLOC_022339	NPR2	chr9:35792405-35812259	2.05802	1.80893	-0.186118	0.890466
XLOC_010616	MAST1	chr19:12949258-12985766	4.96578	4.36516	-0.185986	0.852893
XLOC_002914	BMS1P6	chr10:47225570-47243511	0.00290693	0.00255541	-0.185944	1
XLOC_003113	CUEDC2	chr10:104183001-10419242	86.6971	76.2171	-0.185868	0.797744
XLOC_020638	ZSCAN21	chr7:99647416-99679371	1.62114	1.42527	-0.185777	0.981745
XLOC_006758	DTD2	chr14:31915242-31926680	4.4944	3.95181	-0.185615	0.851335
XLOC_003847	MLL	chr11:118307204-11839751	1.02521	0.90149	-0.185532	0.834115
XLOC_012689	SP100	chr2:231280870-231410317	16.336	14.3647	-0.185524	0.845971
XLOC_009958	FDXR	chr17:72858618-72869156	44.5668	39.1894	-0.185506	0.81342
XLOC_003969	IGF2,INS,INS-IGF2	chr11:2150341-2182439	0.00801256	0.00704653	-0.18535	1
XLOC_011430	KANK2	chr19:11274942-11308243	2.31344	2.03506	-0.18497	0.882523
XLOC_002971	TYSND1	chr10:71897736-71906496	15.954	14.0344	-0.184954	0.826268
XLOC_000697	SNX27	chr1:151584661-151671551	3.51815	3.095	-0.184875	0.827184
XLOC_004350	PC	chr11:66615996-66725847	1.73356	1.52509	-0.184844	0.979701
XLOC_006814	FERMT2	chr14:53323988-53417815	0.0284115	0.0249954	-0.184813	1
XLOC_006383	PPM1A	chr14:60712469-60765805	4.13602	3.63881	-0.184776	0.828589
XLOC_007253	SLC51B	chr15:65337707-65360388	0.0214343	0.018859	-0.18467	1
XLOC_002853	ENKUR	chr10:25270907-25351208	0.107623	0.0946924	-0.184668	1
XLOC_003771	KULK1	chr11:94277016-94283064	3.43692	3.0242	-0.184565	0.839607
XLOC_023110	IER5L	chr9:131937830-131940541	28.6275	25.1899	-0.184555	0.825249
XLOC_022505	UGCG	chr9:114659205-114695433	7.2408	6.37167	-0.184477	0.862523
XLOC_003695	LRTOMT	chr11:71709957-71823822	1.32529	1.16625	-0.184431	0.987693
XLOC_003082	HPS1	chr10:100175954-10020671	34.3213	30.2032	-0.184405	0.845812
XLOC_007320	C15orf27	chr15:76352298-76497304	0.0188528	0.0165907	-0.184405	1
XLOC_018698	ZNF184	chr6:27418520-27440897	1.99102	1.75236	-0.184206	0.883505
XLOC_009608	MYO1D	chr17:30819627-31203902	3.70876	3.26429	-0.184168	0.839213
XLOC_010179	FHOD3	chr18:33877701-34805288	0.0523956	0.0461199	-0.184058	1
XLOC_006932	GPR68	chr14:91698875-91720224	0.284452	0.250425	-0.183812	1
XLOC_023113	PTGES	chr9:132500614-132515344	0.106103	0.0934217	-0.183637	1
XLOC_000917	MR1	chr1:181002560-181031074	1.1019	0.970207	-0.183627	0.869168
XLOC_000320	PPCS	chr1:42922172-42926086	40.7	35.843	-0.183334	0.814433
XLOC_022335	CCDC107	chr9:35658286-35665278	15.4554	13.6113	-0.183309	0.942488
XLOC_013659	PLCG1	chr20:39766160-39804357	14.2526	12.5529	-0.183206	0.80341
XLOC_012649	STK36	chr2:219528586-219567441	3.00701	2.64864	-0.18308	0.949812
XLOC_000366	MAST2	chr1:46269284-46501796	20.394	17.967	-0.1828	0.802508
XLOC_012182	ACYP2	chr2:54342409-54532435	3.04444	2.68215	-0.182785	0.921218
XLOC_003315	EIF3F	chr11:8008866-8017719	433.799	382.179	-0.182779	0.806218
XLOC_018436	FOXO3	chr6:108881025-109005974	5.60288	4.93618	-0.182774	0.813342
XLOC_022886	TRPM6	chr9:77337410-77503010	0.0534236	0.0470672	-0.182755	1
XLOC_016505	C4orf33	chr4:130014828-130033843	5.82423	5.13161	-0.182657	0.865379
XLOC_023948	ABCB7	chrX:74273006-74376175	15.4491	13.6133	-0.182507	0.806888
XLOC_012328	LIPT1	chr2:99771417-99779613	8.35624	7.3633	-0.182502	0.865814
XLOC_004690	ATN1	chr12:7033625-7051484	41.1403	36.2538	-0.182421	0.802508
XLOC_020498	SUMF2	chr7:56131916-56160689	66.7095	58.7864	-0.182409	0.8561
XLOC_015929	TXNRD3, TXNRD3NB	chr3:126290621-126373967	3.40148	2.99781	-0.182254	0.872554
XLOC_011006	BAX	chr19:49458116-49465055	197.497	174.064	-0.182215	0.811389
XLOC_016090	THPO	chr3:184089772-184095933	0.241715	0.213039	-0.182187	1
XLOC_001695	AMIGO1	chr1:110049445-110052331	2.6237	2.3127	-0.18203	0.900578
XLOC_009766	MPP2	chr17:41952726-41985113	5.60313	4.93924	-0.181944	0.845974
XLOC_018385	IRAK1BP1	chr6:79577188-79608320	1.70768	1.50536	-0.181931	0.942878
XLOC_010702	UBA52	chr19:18682613-18688270	403.213	355.445	-0.181915	0.828858
XLOC_010202	SMAD4	chr18:48556582-48611411	4.38607	3.86658	-0.181871	0.819258
XLOC_003952	PIDD	chr11:799178-805250	14.4114	12.7053	-0.181784	0.833086
XLOC_010719	ZNF253	chr19:19976713-20004293	1.54748	1.36432	-0.181736	0.912153
XLOC_005236	TNFRSF1A	chr12:6437922-6451283	31.5131	27.7839	-0.181702	0.80896
XLOC_008530	FBXL19-AS1	chr16:30930639-30960104	0.30954	0.272942	-0.181532	1
XLOC_015590	ZFYVE20	chr3:15111579-15140655	3.93814	3.47302	-0.181326	0.832995
XLOC_009142	CDK5RAP3	chr17:46048428-46059147	31.7238	27.9777	-0.181292	0.81526
XLOC_001319	AKR7A5	chr1:19609056-19615280	11.2882	9.95524	-0.181285	0.880833
XLOC_007584	GNB3	chr15:52413122-52483565	8.78359	7.74721	-0.181134	0.831797
XLOC_022714	AK3	chr9:4709556-4742043	7.79956	6.87943	-0.181102	0.826046
XLOC_023116	FNBP1	chr9:132649465-132805473	0.00979326	0.00863874	-0.180968	1
XLOC_012389	PSD4	chr2:113931559-113960677	1.8	1.58787	-0.180907	0.891508
XLOC_003342	SPON1	chr11:13984183-14289679	0.0305516	0.0269518	-0.180868	1
XLOC_012270	TMSB10	chr2:85132762-85133799	6124.64	5403.15	-0.180826	0.842911
XLOC_018350	LOC730101	chr6:52529198-52533951	1.52957	1.34944	-0.180764	0.894516
XLOC_002826	ACBD7	chr10:15117473-15130775	2.17857	1.92211	-0.180685	0.880763

XLOC_013843	SLC23A2	chr20:4833001-4990939	0.983553	0.867783	-0.180669	0.895499
XLOC_015029	SLC25A38	chr3:39424814-39438819	50.1941	44.2885	-0.180584	0.809695
XLOC_013307	FAM126B	chr2:201838440-201936392	1.09735	0.968481	-0.180232	0.856449
XLOC_018907	TNFRSF21	chr6:47199267-47277680	3.35535	2.96138	-0.180192	0.872961
XLOC_014834	RPL3	chr22:39708886-39715670	4127.01	3642.79	-0.180053	0.869885
XLOC_017701	COL4A3BP	chr5:74666927-74895646	4.78146	4.22096	-0.179878	0.858398
XLOC_020685	MLL5	chr7:104654636-104754532	5.29637	4.67558	-0.179857	0.823379
XLOC_006972	SLC25A29	chr14:100757452-10077286	45.9487	40.5638	-0.179829	0.811724
XLOC_005527	GLS2	chr12:56862300-56882181	12.1594	10.7348	-0.179772	0.89239
XLOC_002701	CASP7	chr10:115438920-11549066	4.68039	4.13218	-0.179725	0.865806
XLOC_009359	TBCD	chr17:80709939-80901062	13.3287	11.768	-0.179666	0.820463
XLOC_022465	C9orf174	chr9:100000707-100139572	0.46797	0.413194	-0.179598	0.933023
XLOC_009592	CORO6	chr17:27920526-27948441	0.0214466	0.0189372	-0.179523	1
XLOC_018132	HIST1H2BN	chr6:27806439-27806888	1.76186	1.55572	-0.179512	0.972989
XLOC_020891	PDGFA	chr7:536896-559481	5.93481	5.24081	-0.179412	0.874709
XLOC_012744	RNPEPL1	chr2:241508003-241518148	49.7013	43.8897	-0.179402	0.810878
XLOC_007832	WDR90	chr16:699362-717829	5.97661	5.27796	-0.179348	0.852163
XLOC_009092	TMEM106A	chr17:41363893-41371589	0.617596	0.54543	-0.17927	0.944724
XLOC_016750	NMU	chr4:56461397-56502465	20.302	17.9305	-0.179204	0.869898
XLOC_009882	TUBD1	chr17:57936840-57970306	1.79267	1.58328	-0.179195	0.919128
XLOC_007274	GLCE	chr15:69116302-69564544	1.25375	1.10732	-0.179177	0.883482
XLOC_024188	MECP2	chrX:153287263-153363181	29.0255	25.6359	-0.179153	0.851815
XLOC_008379	ZNF205-AS1	chr16:3160460-3170518	0.324435	0.286569	-0.179048	1
XLOC_022234	SHARPIN	chr8:145153535-145159140	92.7202	81.9025	-0.178976	0.805942
XLOC_015868	BTLA	chr3:112182812-112218408	0.00381935	0.00337409	-0.17883	1
XLOC_012104	KRTCAP3	chr2:27665232-27712571	0.762017	0.673397	-0.178368	0.993379
XLOC_009455	GABARAP	chr17:7143737-7145753	379.405	335.299	-0.178294	0.816305
XLOC_017759	NUDT12	chr5:102884555-102898490	2.79067	2.46625	-0.178291	0.870173
XLOC_005428	PRKAG1	chr12:49396054-49412629	43.9655	38.8581	-0.178158	0.816305
XLOC_019125	PLAGL1	chr6:144261436-144385732	10.1945	9.01036	-0.178133	0.843587
XLOC_023185	ENTPDP2	chr9:139942550-139948502	132.949	117.507	-0.178122	0.816145
XLOC_023929	RPS4X	chrX:71492452-71497141	3411.18	3015	-0.178113	0.855981
XLOC_001691	PSRC1	chr1:109822175-109825790	31.1193	27.5061	-0.178058	0.823458
XLOC_003732	AAMDC	chr11:77532207-77583398	27.2622	24.0972	-0.178038	0.878785
XLOC_013437	RAB17	chr2:238482964-238499768	0.0553699	0.0489429	-0.178003	1
XLOC_007523	LTK	chr15:41795839-41806085	42.7368	37.7768	-0.177977	0.813829
XLOC_010797	MLL4	chr19:36208920-36229779	6.72923	5.94851	-0.177913	0.822123
XLOC_022515	C9orf43	chr9:116169517-116191878	0.37225	0.32909	-0.177789	0.991902
XLOC_021061	DDC	chr7:50526133-50633154	0.0313917	0.027754	-0.177687	1
XLOC_018164	ZNRD1	chr6:30029035-30032686	93.3918	82.571	-0.177661	0.820283
XLOC_008432	NTAN1	chr16:15131709-15149936	25.6953	22.7191	-0.177599	0.834115
XLOC_013946	CPNE1_RBM12	chr20:34213952-34252878	91.0385	80.4938	-0.177599	0.859262
XLOC_020602	ANKIB1	chr7:91875547-92030698	2.805	2.48022	-0.177537	0.845125
XLOC_009324	GAA	chr17:78075354-78093679	57.6915	51.015	-0.177439	0.821056
XLOC_011671	FCGBP	chr19:40353962-40440533	0.0335619	0.0296788	-0.177391	1
XLOC_013594	ASXL1	chr20:30946146-31027122	12.3232	10.8985	-0.177238	0.896051
XLOC_006834	TIMM9	chr14:58862643-59015549	47.3186	41.85	-0.177178	0.826688
XLOC_016187	RGS12	chr4:3315873-3441640	2.44779	2.16496	-0.177114	0.902309
XLOC_007205	GALK2	chr15:49447975-49913118	9.65133	8.53696	-0.177006	0.837677
XLOC_006017	ZMYM5	chr13:20397623-20437776	4.85254	4.29238	-0.176965	0.900578
XLOC_022310	LOC100129250	chr9:32540541-32553015	16.7445	14.8119	-0.176936	0.970232
XLOC_003629	CTSW	chr11:65647283-65656010	0.0164891	0.0145888	-0.176646	1
XLOC_022287	SNAPC3	chr9:15422781-15461627	2.86824	2.53807	-0.176433	0.87951
XLOC_020436	LOC401321	chr7:32797897-32802536	2.52977	2.23896	-0.176176	0.873414
XLOC_010586	C19orf38	chr19:10959105-10980360	0.191832	0.169784	-0.176139	1
XLOC_023778	PHKA2	chrX:18908413-19002480	4.20568	3.72274	-0.175976	0.849892
XLOC_011432	RAB3D	chr19:11406823-11450344	13.3719	11.837	-0.175901	0.823658
XLOC_017113	CARD6	chr5:40841409-40855456	1.02372	0.906251	-0.175841	0.912101
XLOC_016999	MFAP3L	chr4:170907747-170947428	0.255987	0.226614	-0.175833	1
XLOC_015866	GCSAM	chr3:111839687-111852152	0.220132	0.194884	-0.175749	1
XLOC_014168	DYRK1A	chr21:38739858-38887679	5.27496	4.67016	-0.17569	0.832662
XLOC_008468	CDR2	chr16:22357256-22385938	8.87429	7.85685	-0.175682	0.83716
XLOC_022713	SPATA6L	chr9:4598315-4666674	0.545926	0.483355	-0.175623	0.978945
XLOC_000625	HSD3BP4	chr1:120106502-120115198	0.00160716	0.00142298	-0.175591	1
XLOC_000421	HOOK1	chr1:60280532-60342050	0.00426976	0.00378083	-0.17545	1
XLOC_016834	C4orf36	chr4:87797357-87813575	0.345968	0.306357	-0.175424	1
XLOC_003005	CAMK2G	chr10:75572258-75634349	6.1962	5.48745	-0.175248	0.850392
XLOC_019144	ZBTB2	chr6:151685249-151712677	5.66005	5.01295	-0.175154	0.850392
XLOC_002916	GDF2	chr10:48413091-48416853	0.0104044	0.00921583	-0.175006	1
XLOC_002385	THNSL1	chr10:25270907-25351208	9.73009	8.61859	-0.175001	0.82774
XLOC_001450	OSCP1	chr1:36883506-36916086	1.66052	1.47088	-0.17496	0.950929
XLOC_021409	MLL3	chr7:151832009-152133090	1.44694	1.28174	-0.174897	0.845125
XLOC_007923	NUDT16L1	chr16:4743693-4745860	31.3136	27.7423	-0.174704	0.848508
XLOC_006465	TMEM63C	chr14:77648101-77725838	1.60303	1.42035	-0.174553	0.898418
XLOC_009206	VMP1	chr17:57784862-57917952	66.2234	58.6809	-0.174451	0.823658
XLOC_009006	DHRS11	chr17:34948225-34957233	13.508	11.9696	-0.174434	0.867146
XLOC_018384	MYO6	chr6:76458908-76629254	1.81231	1.60597	-0.17438	0.851815
XLOC_007565	CEP152	chr15:49030134-49103343	1.19764	1.06133	-0.174317	0.891905
XLOC_020350	AP5Z1	chr7:4815261-4834026	10.943	9.6976	-0.174307	0.832418

XLOC_001537	SPATA6	chr1:48761043-48937876	0.568919	0.50418	-0.174284	0.926423
XLOC_014700	RIMBP3C	chr22:21899957-21978323	0.0142078	0.0125912	-0.174276	1
XLOC_024212	TMLHE	chrX:154696200-15484262	7.24389	6.41968	-0.174264	0.909016
XLOC_006765	CFL2	chr14:35179587-35184029	14.4646	12.8189	-0.174258	0.828589
XLOC_018258	RPL10A	chr6:35436177-35438558	3230.37	2862.95	-0.174199	0.851892
XLOC_004010	HGB1	chr11:5269501-5271087	0.302791	0.268354	-0.174184	1
XLOC_021396	ATG9B	chr7:150688143-15072158	1.20014	1.06366	-0.174155	0.976198
XLOC_011357	DENND1C	chr19:6464259-6481798	0.221393	0.196219	-0.174146	1
XLOC_009815	HOXB3	chr17:46626231-46651810	3.32103	2.94356	-0.174069	0.887208
XLOC_014341	PRDM15	chr21:43218384-43299591	0.747246	0.662317	-0.174061	0.913628
XLOC_014259	LTN1	chr21:30300465-30365277	1.23618	1.09575	-0.173972	0.877363
XLOC_023061	ZBTB6	chr9:125670334-125675607	2.93092	2.59813	-0.173877	0.869071
XLOC_007186	B2M	chr15:45003684-45010357	817.329	724.691	-0.173552	0.837208
XLOC_023104	ZER1	chr9:131486740-13153421	34.6766	30.7466	-0.173535	0.829179
XLOC_006369	C14orf101	chr14:57046510-57116232	3.7647	3.33803	-0.173535	0.868447
XLOC_016679	FBXL5	chr4:15606006-15657035	7.96777	7.06479	-0.17353	0.841266
XLOC_003221	B4GALNT4	chr11:369794-382117	13.9307	12.352	-0.173516	0.85085
XLOC_007679	LOXL1-AS1	chr15:74209808-74244478	1.27921	1.13427	-0.173494	0.962215
XLOC_008435	KIAA0430	chr16:15688225-15737023	2.09952	1.86167	-0.173459	0.858101
XLOC_006055	UBL3	chr13:30338544-30424820	4.52069	4.00892	-0.173327	0.851637
XLOC_009536	FLI1	chr17:18128935-18162230	69.0889	61.2691	-0.173295	0.865541
XLOC_002495	HKDC1	chr10:70980058-71027315	1.44844	1.28451	-0.173275	0.919029
XLOC_007568	COP2	chr15:49417470-49447854	16.5693	14.6949	-0.173194	0.818944
XLOC_000131	NECAP2	chr1:16767166-16786584	25.1817	22.334	-0.17313	0.827857
XLOC_009027	RPL19	chr17:37356535-37360980	5991.69	5314.36	-0.173068	0.860484
XLOC_023912	OPHN1	chrX:67262185-67653299	1.92292	1.70567	-0.172963	0.862722
XLOC_004786	KLHL42	chr12:27933186-27955973	3.30364	2.93077	-0.172776	0.845726
XLOC_007918	VASN	chr16:4390251-44666962	1.87869	1.66667	-0.172756	0.991767
XLOC_021512	CHMP7	chr8:23101149-23119512	19.1879	17.0227	-0.172741	0.823458
XLOC_013073	TBC1D8	chr2:101618690-10176784	2.18524	1.93872	-0.172688	0.99351
XLOC_023366	PORCN	chrX:48367370-48379202	16.1338	14.314	-0.172665	0.851892
XLOC_014995	TGFBR2	chr3:30647993-30735633	1.01129	0.897226	-0.172658	0.916017
XLOC_004807	IRAK4	chr12:44152746-44183346	3.70564	3.28777	-0.172614	0.863571
XLOC_022119	RNF19A	chr8:101269287-10132237	7.11172	6.30984	-0.172597	0.833863
XLOC_011475	C19orf57	chr19:13993167-14016909	0.712538	0.6322	-0.172587	0.950929
XLOC_006913	ISM2	chr14:77940737-77965210	0.00843244	0.00748178	-0.172568	1
XLOC_005027	PLXNC1	chr12:94542498-94701451	0.643423	0.570938	-0.172432	0.930777
XLOC_003657	SSH3	chr11:67070918-67080078	20.1958	17.9213	-0.172375	0.835119
XLOC_001183	LOC100288069	chr1:700244-714068	0.860335	0.763526	-0.172221	0.957343
XLOC_017305	LYRM7	chr5:130506640-13054111	1.40557	1.2475	-0.172219	0.879514
XLOC_011556	ZNF14	chr19:19821280-19843921	1.95441	1.73466	-0.172086	0.901921
XLOC_009518	ZSWIM7	chr17:15879874-15932723	8.7048	7.72611	-0.172068	0.965607
XLOC_016805	SCARB2	chr4:77079891-77135052	23.3739	20.7468	-0.172008	0.828589
XLOC_009924	GNA13	chr17:63005406-63052920	6.25288	5.55022	-0.171977	0.830101
XLOC_012193	PAPOLG	chr2:60983364-61029221	1.68571	1.49657	-0.171696	0.868422
XLOC_001894	YY1AP1	chr1:155629232-15565882	21.8384	19.3891	-0.171623	0.830507
XLOC_004914	DGKA	chr12:56324945-56347807	10.4815	9.30642	-0.17155	0.844123
XLOC_009474	PER1	chr17:8043787-8055753	5.58752	4.96114	-0.171537	0.869168
XLOC_011322	MAP2K2	chr19:4090319-4124126	160.204	142.265	-0.17133	0.829595
XLOC_001193	TNFRSF4	chr1:1146705-1149548	0.0283605	0.0251852	-0.171306	1
XLOC_004975	DYRK2	chr12:68042511-68056444	3.56259	3.16379	-0.171273	0.854087
XLOC_015926	ZXDC	chr3:126156443-12619476	5.32706	4.73093	-0.171216	0.917151
XLOC_004883	HOXC8	chr12:54402889-54406545	2.19197	1.94678	-0.171139	0.918898
XLOC_008219	CALB2	chr16:71392615-71424342	15.2294	13.5273	-0.170992	0.862445
XLOC_000071	PIK3CD	chr1:9711789-9884550	2.73427	2.42877	-0.170932	0.979701
XLOC_016177	NAT8L	chr4:2061238-2070816	0.0169475	0.0150552	-0.170812	1
XLOC_005247	ING4	chr12:6759703-6772308	6.78976	6.03164	-0.170809	0.898922
XLOC_005460	KRT83	chr12:52708084-52715182	0.0383731	0.0340886	-0.170802	1
XLOC_006693	ZNF219	chr14:21558204-21572863	18.8398	16.7375	-0.170701	0.861881
XLOC_018097	HIST1H2AC	chr6:26124372-26124918	6.33335	5.62676	-0.170665	0.954559
XLOC_006669	TMEM121	chr14:105992952-1059965	1.3809	1.22686	-0.170646	0.963629
XLOC_008018	CCDC101	chr16:28565248-28603111	12.6733	11.2597	-0.170625	0.891486
XLOC_021574	C8orf40	chr8:42273979-42408140	49.608	44.0749	-0.170614	0.90314
XLOC_007280	LRRRC49	chr15:71184927-71342436	1.4321	1.27237	-0.17061	0.912696
XLOC_024097	FAM122B	chrX:133903595-13398864	6.45888	5.73871	-0.170558	0.874442
XLOC_024047	CUL4B	chrX:119658445-11970968	7.47172	6.63875	-0.170528	0.825593
XLOC_000753	EFNA1	chr1:155100348-15510738	19.1407	17.0074	-0.170481	0.851815
XLOC_015816	EIF4E3	chr3:71728439-71804328	3.30691	2.93853	-0.170388	0.847596
XLOC_009233	SNORA76	chr17:62223698-62223831	10.0494	8.93001	-0.17037	0.982907
XLOC_022276	KIAA1432	chr9:5629118-5776556	1.56759	1.39299	-0.170364	0.881073
XLOC_013109	CKAP2L	chr2:113495443-11352225	2.7077	2.40612	-0.17036	0.884394
XLOC_013256	PRKRA	chr2:179059207-17967215	21.0218	18.6805	-0.170351	0.907688
XLOC_014456	MMP11	chr22:24115035-24126503	7.8149	6.94485	-0.170283	0.881073
XLOC_013633	DLGAP4	chr20:34995443-35157040	24.7844	22.0259	-0.170227	0.829377
XLOC_011915	ZNF616	chr19:52617652-52643191	1.17848	1.04734	-0.170196	0.920028
XLOC_002755	FANK1	chr10:127585107-1276981	0.729119	0.647998	-0.170165	0.957289
XLOC_001032	RCOR3	chr1:211432707-21148972	3.80878	3.38517	-0.1701	0.886662
XLOC_017608	UGT3A1	chr5:35953190-36001130	0.00555915	0.00494097	-0.170071	1
XLOC_009789	MAP3K14	chr17:43325302-43394414	3.21588	2.85895	-0.169724	0.890511

XLOC_000572	GSTM1	chr1:110230417-110236361	36.8419	32.7566	-0.169562	0.846526
XLOC_000991	ZC3H11A	chr1:203764750-203823256	16.5609	14.7249	-0.169527	0.830351
XLOC_005898	KCNRG,TRIM13	chr13:50556687-50699677	4.08989	3.63649	-0.169516	0.880508
XLOC_017838	CDC25C	chr5:137620958-137667516	5.94066	5.28232	-0.169453	0.881073
XLOC_018791	GPSM3,NOTCH4	chr6:32158542-32191844	0.169288	0.150527	-0.169453	1
XLOC_001719	PPM1J	chr1:113252615-113257956	23.0284	20.4787	-0.169291	0.849027
XLOC_023536	TCEAL1	chrX:102883647-102885871	11.6531	10.3634	-0.169211	0.882107
XLOC_003985	ZNF195	chr11:3379156-3400452	6.18533	5.50094	-0.169172	0.855212
XLOC_015249	PVRL3	chr3:110790605-110913011	1.52951	1.36028	-0.169171	0.893663
XLOC_020645	PVRI3	chr7:99775537-99869855	0.0500252	0.04449	-0.169171	1
XLOC_012973	PAIP2B	chr2:71409867-71454233	2.28364	2.03107	-0.169098	0.86642
XLOC_014689	DGCR6L	chr22:20301760-20307628	80.4928	71.5903	-0.169096	0.832803
XLOC_006823	DLGAP5	chr14:55614833-55658396	7.62081	6.77849	-0.168981	0.845125
XLOC_023135	SURF1	chr9:136218665-136223361	43.8232	38.9838	-0.168822	0.844001
XLOC_002741	PSTK	chr10:124739555-12474990	2.84486	2.53072	-0.16881	0.92385
XLOC_006698	CHD8	chr14:21853352-21905457	3.62236	3.22297	-0.168541	0.846709
XLOC_008341	SPSB3	chr16:1826712-1832581	45.5835	40.5588	-0.168496	0.845211
XLOC_022641	CACFD1	chr9:136325086-136335906	6.30868	5.61355	-0.168423	0.885278
XLOC_003844	CD3G	chr11:118215058-11822448	0.0117829	0.0104853	-0.168331	1
XLOC_013363	RNF25	chr2:219528586-219567446	27.9223	24.8476	-0.16831	0.883551
XLOC_001895	GON4L	chr1:155715558-155826972	2.09488	1.86423	-0.168287	0.873862
XLOC_010336	TPGS2	chr18:33877701-34805288	39.2503	34.93	-0.168236	0.89272
XLOC_023423	MAGED2	chrX:54834170-54842445	40.4573	36.0043	-0.168233	0.834771
XLOC_002877	EPC1	chr10:32556643-32667726	5.35859	4.76884	-0.168214	0.863571
XLOC_023189	LRRC26	chr9:140033608-140064449	6.64556	5.91433	-0.168175	0.952905
XLOC_020793	TAS2R3	chr7:141463896-141464997	0.014992	0.0133431	-0.168099	1
XLOC_011672	ZNF780B	chr19:40534166-40562115	0.657622	0.585295	-0.168096	0.906464
XLOC_018874	GUCA1B	chr6:42151021-42162694	1.16386	1.03595	-0.167959	0.939261
XLOC_021907	FLJ14107	chr8:22462144-22526661	0.0315176	0.0280554	-0.167879	1
XLOC_011385	RAB11B-AS1	chr19:8439259-8469317	3.87903	3.45313	-0.167791	0.990857
XLOC_004639	LOC100288778	chr12:87983-91263	13.5055	12.0235	-0.167698	0.882107
XLOC_010941	KLC3	chr19:45843997-45873845	35.7915	31.8652	-0.167632	0.922042
XLOC_010724	ZNF430	chr19:21203425-21242852	1.22566	1.09124	-0.167589	0.909694
XLOC_010018	SGSH	chr17:78143790-78194199	16.1867	14.412	-0.167536	0.856449
XLOC_012106	C2orf16	chr2:27799388-27805589	0.090717	0.0807741	-0.167479	1
XLOC_023901	LOC92249	chrX:62646438-62780873	5.03034	4.47901	-0.167474	0.877764
XLOC_016626	SLC26A1	chr4:972862-998317	0.632413	0.563108	-0.167455	0.987858
XLOC_023941	FTX	chrX:73164158-73513409	0.551776	0.491308	-0.167453	0.979701
XLOC_014422	MED15	chr22:20861885-20941919	22.5764	20.1024	-0.16745	0.836851
XLOC_005559	C12orf61	chr12:62995530-62997214	0.42155	0.375375	-0.167369	0.974044
XLOC_001076	EPHX1	chr1:225997796-226070426	18.2689	16.2679	-0.167358	0.923575
XLOC_007408	MAN2A	chr15:91447419-91465815	8.18246	7.28757	-0.167097	0.844458
XLOC_021312	UBE2H	chr7:129470572-129592806	11.7758	10.4882	-0.167059	0.838386
XLOC_022450	LOC100132077	chr9:97094757-97123230	0.194639	0.173358	-0.16705	1
XLOC_012595	BMPR2	chr2:203241049-203432474	0.738095	0.657516	-0.16678	0.885618
XLOC_010843	PAK4	chr19:39616419-39670046	36.5588	32.571	-0.16663	0.841971
XLOC_011435	RGL3	chr19:11504731-11530018	12.1449	10.8204	-0.166594	0.870042
XLOC_003937	SIGIRR	chr11:405715-417397	45.6256	40.6535	-0.166464	0.836371
XLOC_020897	ZFAND2A	chr7:1192542-1199855	19.6652	17.5228	-0.166412	0.877135
XLOC_006230	ADPRLH1	chr13:114076259-11410783	3.80625	3.39165	-0.166383	0.917639
XLOC_017366	VTRNA1-3	chr5:140105743-140105831	131.847	117.489	-0.166338	0.979875
XLOC_013012	RETSAT	chr2:85569077-85581821	17.483	15.5816	-0.166115	0.845726
XLOC_022492	SLC44A1	chr9:108006928-108153682	11.3052	10.0772	-0.165899	0.836851
XLOC_011340	C19orf70	chr19:5678432-5688534	108.531	96.7489	-0.165789	0.845239
XLOC_004970	MSRB3	chr12:65672422-65860687	0.435843	0.388561	-0.165668	0.945946
XLOC_016637	MXD4	chr4:2249159-2263739	26.8466	23.937	-0.165495	0.834859
XLOC_007637	PARP16	chr15:65550436-65579018	9.35298	8.3396	-0.165447	0.871957
XLOC_011448	ZNF799	chr19:12500827-12512088	1.83393	1.63526	-0.165416	0.916337
XLOC_011418	TYK2	chr19:10461203-10491248	18.6608	16.6397	-0.165389	0.840932
XLOC_005781	LOC387895	chr12:127215246-12725686	0.136676	0.121873	-0.16538	1
XLOC_012993	LBX2	chr2:74724643-74734821	6.60791	5.89251	-0.165313	0.976618
XLOC_018263	MAPK14	chr6:35995453-36079013	9.76598	8.70894	-0.165268	0.845125
XLOC_003585	VEGFB	chr11:64002055-64006736	79.2846	70.705	-0.165229	0.838994
XLOC_023831	ZNF41	chrX:47305560-47342345	0.259156	0.231131	-0.165112	1
XLOC_009798	ARL17A	chr17:44590075-44657088	0.206652	0.184308	-0.16509	1
XLOC_023583	DOCK11	chrX:117629871-11782012	0.791566	0.706002	-0.165037	0.913628
XLOC_000398	ZYG11A	chr1:53308182-53360247	0.00369501	0.00329581	-0.164946	1
XLOC_003861	HINFP	chr11:118992232-11900576	11.3116	10.0896	-0.164937	0.868469
XLOC_013507	CDC25B	chr20:3776400-3786761	21.8331	19.4746	-0.164922	0.845125
XLOC_009977	TRIM47	chr17:73870244-73874656	16.041	14.3086	-0.164883	0.870709
XLOC_022983	TMEM246	chr9:104237607-104249478	27.5976	24.6177	-0.164847	0.842969
XLOC_021132	PION	chr7:76940067-77045717	0.902505	0.805074	-0.164814	0.930066
XLOC_014844	ST13	chr22:41220600-41252687	94.4603	84.2657	-0.164762	0.845125
XLOC_021209	GATS	chr7:99775537-99869855	1.85115	1.65152	-0.16463	0.923433
XLOC_018386	LOC100288198	chr6:79910961-79946517	0.516122	0.460468	-0.164612	0.989365
XLOC_021021	VPSA1	chr7:38763542-38948800	3.07592	2.74428	-0.164591	0.87753
XLOC_001484	RIMS3	chr1:41086351-41131324	0.860299	0.767545	-0.164586	0.915432
XLOC_010279	ZBTB14	chr18:5289017-5297052	1.66501	1.48557	-0.164509	0.912643
XLOC_008161	CMTM3	chr16:66637934-66647795	63.7467	56.8819	-0.16438	0.834889

XLOC_005026	CRADD	chr12:94071150-94244531	9.47965	8.459	-0.164347	0.898355
XLOC_003846	ATP5L	chr11:118230295-11828953	152.658	136.227	-0.164294	0.870516
XLOC_010338	LINC00669	chr18:36786887-37331959	0.62031	0.553549	-0.164278	0.952905
XLOC_004081	LOC100506305	chr11:13001080-13011095	0.0224242	0.0200108	-0.164277	1
XLOC_018796	HLA-DRB1	chr6:32546546-32557613	0.0348616	0.0311106	-0.164231	1
XLOC_004990	THAP2	chr12:72003378-72074428	0.513197	0.458032	-0.164066	0.977332
XLOC_006161	FBXL3	chr13:77579388-77601331	5.85866	5.22936	-0.163936	0.862445
XLOC_022398	RPSAP9	chr9:79013514-79014954	9.02276	8.05397	-0.163869	0.89239
XLOC_018878	TBCC	chr6:42712233-42713884	20.35	18.1674	-0.163678	0.86815
XLOC_004648	LRTM2	chr12:1901122-2027870	0.0251206	0.022427	-0.163638	1
XLOC_008961	LRRRC37BP1	chr17:28903482-28964484	4.57839	4.08784	-0.163503	0.858276
XLOC_011452	ZNF490	chr19:12686919-12721623	1.6838	1.50345	-0.163443	0.895883
XLOC_022057	PAG1	chr8:81880045-82024303	0.0792007	0.0707193	-0.163408	1
XLOC_006322	KIAA0391	chr14:35591526-35743284	15.2309	13.6018	-0.163205	0.873102
XLOC_011911	ZNF615	chr19:52494586-52511483	0.649193	0.579764	-0.163182	0.930447
XLOC_022322	NUDT2	chr9:34329503-34343711	52.7492	47.1099	-0.16312	0.851868
XLOC_022588	CERCAM	chr9:131182758-131199631	74.8545	66.8531	-0.163096	0.846398
XLOC_013465	STK25	chr2:242295663-242448987	82.0907	73.3289	-0.162835	0.846441
XLOC_003866	RNF26	chr11:119205209-11920807	25.6652	22.9262	-0.16282	0.846737
XLOC_018898	SUPT3H	chr6:44794466-45518819	4.16479	3.72068	-0.162675	0.912689
XLOC_009820	HOXB7	chr17:46684594-46688383	22.3705	19.987	-0.162534	0.870747
XLOC_012189	CCDC104	chr2:55746739-55772216	52.3037	46.7324	-0.162489	0.845974
XLOC_002133	PLEKHA6	chr1:204187978-204329057	1.52052	1.35868	-0.162358	0.904734
XLOC_017172	GTF2H2B	chr5:69711196-69746189	2.10039	1.87686	-0.162336	0.897072
XLOC_015254	TMPRSS7	chr3:111758464-111800111	0.00591017	0.00528183	-0.162161	1
XLOC_004925	MYL6B	chr12:56546203-56551771	116.648	104.248	-0.162143	0.839124
XLOC_003004	NDST2	chr10:75561668-75571589	6.49071	5.80081	-0.162123	0.872721
XLOC_011745	CEACAM22P	chr19:45041044-45060150	0.0109028	0.00974447	-0.162041	1
XLOC_012108	GPN1	chr2:27848505-27917847	29.6209	26.475	-0.161986	0.940999
XLOC_009534	TOM1L2	chr17:17746821-17875784	4.05646	3.62565	-0.161981	0.8725
XLOC_014057	PPP1R3D	chr20:58508818-58523702	1.85032	1.6539	-0.161898	0.96103
XLOC_014968	CAPN7	chr3:15247732-15294423	3.43381	3.06937	-0.161869	0.874709
XLOC_020576	CCDC146	chr7:76751933-76924521	0.41501	0.370987	-0.161778	0.952216
XLOC_001863	CRTC2	chr1:153920147-153931133	19.0427	17.0251	-0.161579	0.853057
XLOC_001288	TMEM51-AS1	chr1:14925212-15478960	0.10923	0.0976684	-0.161401	1
XLOC_017081	TRIO	chr5:14143828-14509458	2.48059	2.21808	-0.161372	0.872554
XLOC_022196	TRAPPC9	chr8:140742585-141468678	8.99942	8.04724	-0.161337	0.856449
XLOC_000520	LOC729970	chr1:95393583-95428826	2.11193	1.88849	-0.161329	0.948088
XLOC_017888	IL17B	chr5:148753829-148758838	0.0754654	0.0674856	-0.161237	1
XLOC_010180	KIAA1328	chr18:33877701-34805288	0.39104	0.349712	-0.161151	0.989841
XLOC_016524	MMAA	chr4:146540539-146581187	0.477089	0.426699	-0.16104	0.933023
XLOC_022616	LAMC3	chr9:133884503-133968444	0.12631	0.112971	-0.161021	1
XLOC_020377	ARL4A	chr7:12726451-12730558	3.37481	3.01856	-0.160946	0.895499
XLOC_013318	RAPH1	chr2:204298538-204400058	0.864031	0.772824	-0.160944	0.903682
XLOC_003135	LOC282997	chr10:112628647-11263066	2.08991	1.86935	-0.160904	0.937187
XLOC_001060	C1orf115	chr1:220863627-220872495	3.39819	3.0398	-0.160789	0.900578
XLOC_018619	SERPINB6	chr6:2948392-2972399	103.363	92.4619	-0.160783	0.844167
XLOC_011363	SH2D3A	chr19:6752172-6767523	7.83288	7.00686	-0.160775	0.898333
XLOC_002146	ELK4	chr1:205577070-205602000	4.30866	3.85443	-0.160721	0.915091
XLOC_017625	TTC33	chr5:40711677-40756072	1.58751	1.42025	-0.160625	0.899094
XLOC_012266	CTNNA2	chr2:79740059-80875988	0.00403622	0.00361141	-0.160441	1
XLOC_009450	ASGR1	chr17:7076750-7082883	14.3483	12.8388	-0.160373	0.886165
XLOC_003773	AMOTL1	chr11:94501507-94609918	0.0407065	0.0364285	-0.16019	1
XLOC_003334	USP47	chr11:11862969-11980872	5.92086	5.29868	-0.160173	0.851335
XLOC_014182	FAM3B	chr21:42688660-42729654	0.225759	0.202037	-0.160165	1
XLOC_000610	SLC22A15	chr1:116519118-116612678	1.12292	1.00503	-0.160008	0.925191
XLOC_019057	GOPC	chr6:117803819-117923708	4.93234	4.41464	-0.15998	0.869885
XLOC_016395	FRAS1	chr4:78978723-79465423	1.07344	0.960829	-0.159895	0.879372
XLOC_012960	ASPRV1	chr2:70187223-70314147	0.791896	0.708834	-0.159864	0.96128
XLOC_012462	ACVR2A	chr2:148602569-149271044	0.757352	0.677995	-0.15969	0.979701
XLOC_016931	PCDH18	chr4:138440073-138453628	0.0682957	0.0611411	-0.159654	1
XLOC_005012	TMTC2	chr12:83080933-83528067	0.198845	0.178018	-0.15962	1
XLOC_011021	FLT3LG	chr19:49977465-49989488	8.53322	7.63964	-0.159586	0.926423
XLOC_018015	GNB2L1	chr5:180663927-180670900	3287.58	2943.35	-0.159565	0.876899
XLOC_017614	LOC646719	chr5:36871462-36876796	2.2115	1.98006	-0.159482	0.902188
XLOC_018521	HEBP2	chr6:138725335-138734587	54.158	48.4905	-0.159472	0.851815
XLOC_003150	KIAA1598	chr10:118642887-11888608	3.86681	3.21159	-0.159412	0.877493
XLOC_021990	RB1CC1	chr8:53535017-53627026	6.12275	5.48245	-0.159359	0.855416
XLOC_009852	MBTD1	chr17:49254785-49337427	2.52936	2.26495	-0.15929	0.891883
XLOC_017953	DUSP1	chr5:172195092-172198203	54.1007	48.4498	-0.159156	0.854644
XLOC_009846	CHAD	chr17:48503518-48552200	0.0154446	0.0138316	-0.159139	1
XLOC_012395	WASH2P	chr2:114341229-114361294	9.89385	8.86074	-0.159105	0.897241
XLOC_000995	MDM4	chr1:204485506-204527248	4.01357	3.59506	-0.158868	0.863259
XLOC_017549	BRD9	chr5:863849-892939	12.1048	10.8429	-0.158826	0.873261
XLOC_002760	MGMT	chr10:131265453-13156578	72.1508	64.6299	-0.158814	0.852947
XLOC_001738	ATP1A1OS	chr1:116915794-116961244	3.36154	3.01125	-0.158759	0.990857
XLOC_016590	WWC2	chr4:184020462-184241928	0.920495	0.824599	-0.158717	0.925129
XLOC_003712	RNF169	chr11:74459912-74660232	1.11807	1.00174	-0.158508	0.972176
XLOC_018844	MTCH1	chr6:36935910-36954327	30.6262	27.4404	-0.158467	0.854482

XLOC_005746	HNF1A-AS1	chr12:121407640-12141005	0.00667006	0.00597625	-0.15846	1
XLOC_016890	PLA2G12A	chr4:110631144-110651242	4.5072	4.03837	-0.158458	0.873144
XLOC_007983	METTL9	chr16:21610855-21668792	22.0624	19.7677	-0.158445	0.849725
XLOC_021620	C8orf46	chr8:67405490-67430759	0.0256548	0.0229866	-0.158433	1
XLOC_011015	TRPM4	chr19:49661015-49715098	8.33887	7.47175	-0.158407	0.877692
XLOC_014063	CABLES2	chr20:60963685-60982339	1.98527	1.77901	-0.158261	0.922247
XLOC_013693	ZSWIM1	chr20:44509847-44513905	4.73778	4.24557	-0.158253	0.896051
XLOC_001399	TAF12	chr1:28929608-28969604	33.2425	29.7909	-0.158156	0.865814
XLOC_008590	DOK4	chr16:57496550-57520385	14.1219	12.656	-0.158114	0.960071
XLOC_018029	BPHL	chr6:3118925-3153432	18.0497	16.1769	-0.158044	0.870747
XLOC_017957	BOD1	chr5:173034147-173043666	38.5361	34.5378	-0.158034	0.848508
XLOC_006389	HIF1A	chr14:62162118-62215807	2.08602	1.8696	-0.158027	0.959465
XLOC_001903	MEX3A	chr1:156041803-156051785	4.46619	4.00284	-0.158021	0.870173
XLOC_0016128	ATP13A3	chr3:194123402-194188968	8.16015	7.31358	-0.158016	0.852163
XLOC_011327	UBXN6	chr19:4445002-4457791	147.554	132.254	-0.157933	0.852548
XLOC_018728	HLA-F-AS1	chr6:29691116-29716826	1.90317	1.70586	-0.157907	0.987693
XLOC_023331	MID1P1	chrX:38660684-38665783	28.4399	25.4917	-0.157889	0.873414
XLOC_009646	LOC440434	chr17:36351795-36413256	9.49798	8.51368	-0.157838	0.987209
XLOC_020352	RBAK,RBAK-LOC389458	chr7:5085451-5112854	38.7046	34.6992	-0.157601	0.958201
XLOC_009570	UNC119	chr17:26873724-26879646	79.7955	71.54	-0.157556	0.849892
XLOC_004479	MAML2	chr11:95711439-96076344	0.0319999	0.0286919	-0.157423	1
XLOC_010278	LINC00526	chr18:5236722-5238028	1.7247	1.54652	-0.157315	0.952216
XLOC_015520	HRASLS	chr3:192958916-192988642	0.235232	0.210933	-0.157298	1
XLOC_017030	KIAA1430	chr4:186080818-186125182	8.39284	7.52633	-0.157213	0.8501
XLOC_009476	TMEM107	chr17:8076296-8079714	9.61906	8.62605	-0.157196	0.895818
XLOC_024191	DNASE1L1	chrX:153626570-153650062	15.7447	14.1197	-0.157158	0.990324
XLOC_015331	LOC100507032	chr3:129612713-129627752	1.57854	1.41564	-0.157131	0.920028
XLOC_016625	DGKQ	chr4:952671-967348	6.01665	5.39578	-0.15713	0.885255
XLOC_007585	MYO5C	chr15:524844514-52587995	0.637518	0.571753	-0.157074	0.926423
XLOC_001697	GSTM3	chr1:110276553-110283666	17.0152	15.261	-0.156971	0.858589
XLOC_001472	PIEL	chr1:39957317-40025370	0.086272	0.0773838	-0.156862	1
XLOC_009249	AMZ2	chr17:66244144-66253305	48.4073	43.4202	-0.156857	0.853377
XLOC_010991	EMP3	chr19:48828628-48833810	154.533	138.614	-0.156845	0.857265
XLOC_002097	SMIM16	chr1:200311671-200342921	0.0217491	0.0195093	-0.156793	1
XLOC_004956	XRCC6BP1	chr12:58335444-58351052	6.08826	5.46138	-0.156765	0.916913
XLOC_013932	AHCY	chr20:32868070-32899608	193.658	173.719	-0.156748	0.855173
XLOC_017822	LOC340074	chr5:134984371-134989622	0.00770141	0.00690879	-0.156689	1
XLOC_009406	ITGAE	chr17:3617918-3704537	3.41158	3.06052	-0.156662	0.937757
XLOC_004161	HARBI1	chr11:46624855-46638777	1.51143	1.35594	-0.156622	0.948179
XLOC_011686	C19orf54	chr19:41223007-41255828	8.73843	7.83947	-0.156616	0.925955
XLOC_003080	LOXL4	chr10:100007442-10002801	0.0104286	0.00935587	-0.156608	1
XLOC_015971	CEP70	chr3:138213186-138313125	3.07941	2.76273	-0.156561	0.902188
XLOC_014577	TNRC6B	chr22:40440820-40731812	1.28739	1.15507	-0.156547	0.876899
XLOC_020955	CDCA7L	chr7:21582832-21985542	34.4584	30.9171	-0.156452	0.847468
XLOC_007946	ERCC4	chr16:14014013-14046205	0.637964	0.572414	-0.156416	0.928138
XLOC_009020	CISD3	chr17:36886509-36904558	15.6362	14.0307	-0.156304	0.956807
XLOC_006396	AKAP5	chr14:64932216-64941221	0.100436	0.0901239	-0.156288	1
XLOC_020781	UBN2	chr7:138916230-138992982	1.17161	1.05139	-0.1562	0.874782
XLOC_018574	GTF2H5	chr6:158589378-158620376	3.77532	3.38793	-0.156196	0.86642
XLOC_021682	PLEKHF2	chr8:96145948-96168913	6.66408	5.98054	-0.156131	0.876899
XLOC_011693	ATP5SL	chr19:41937222-41945843	29.7131	26.6663	-0.156079	0.86583
XLOC_014142	C21orf49	chr21:34144410-34186053	0.0136147	0.0122195	-0.155987	1
XLOC_013426	NGEF	chr2:233743395-233877952	13.5363	12.1492	-0.155971	0.871169
XLOC_018709	TOB2P1	chr6:28183115-28186707	0.824795	0.740282	-0.155961	0.947008
XLOC_004259	AHNAK	chr11:62201013-62314332	14.1523	12.7042	-0.155727	0.950929
XLOC_003840	CEP164	chr11:117192493-11728398	2.21113	1.98516	-0.155533	0.90314
XLOC_003345	INSC	chr11:15133969-15268754	0.00613719	0.00551003	-0.155519	1
XLOC_007805	TARSL2	chr15:102193954-10226462	2.80851	2.52159	-0.155475	0.905617
XLOC_016592	ING2	chr4:184426219-184432245	10.2499	9.20304	-0.155423	0.906892
XLOC_010348	ST8SIA5	chr18:44259080-44337039	0.0729301	0.0654869	-0.155307	1
XLOC_013247	HOXD-AS1	chr2:177037923-177055635	2.35205	2.11206	-0.15527	0.915538
XLOC_011706	PAFAH1B3	chr19:42801184-42814973	107.707	96.7178	-0.155252	0.874466
XLOC_014181	BACE2	chr21:42539727-42648524	18.6415	16.7409	-0.155137	0.869071
XLOC_010868	ITPKC	chr19:41223007-41255828	5.86949	5.27151	-0.155018	0.938194
XLOC_003491	RTN4RL2	chr11:57228338-57244384	26.66	23.9454	-0.154927	0.907689
XLOC_018849	BTBD9	chr6:38136226-38607924	1.48724	1.33584	-0.154894	0.908114
XLOC_009208	RPS6KB1	chr17:57970406-58027786	3.09285	2.77801	-0.154885	0.878089
XLOC_002282	SMYD3	chr1:245912641-246670644	23.8675	21.4381	-0.154872	0.864166
XLOC_021432	ARHGEF10	chr8:1772148-1906807	6.50791	5.84572	-0.154813	0.869408
XLOC_014835	SNORD83B	chr22:39708886-39715670	29.925	26.8804	-0.154798	0.945946
XLOC_008752	SERPINF1	chr17:1665258-1680859	0.252732	0.227029	-0.154728	1
XLOC_015787	DENND6A	chr3:57611180-57678816	3.47983	3.12596	-0.154717	0.889598
XLOC_013784	RTKL1,TNFRSF6B	chr20:62289162-62367494	6.9692	6.26052	-0.154711	0.972111
XLOC_001623	CTBS	chr1:85018803-85040163	3.51526	3.15784	-0.154695	0.907651
XLOC_007759	KLHL25	chr15:86302558-86338189	3.75505	3.37343	-0.154616	0.908273
XLOC_020889	WDR60	chr7:158649268-158738883	2.01438	1.80969	-0.154588	0.917325
XLOC_014219	ADARB1	chr21:46494492-46646478	3.4896	3.13508	-0.154556	0.904734
XLOC_016598	SNX25	chr4:186131283-186300152	5.25006	4.71685	-0.154513	0.89239
XLOC_004615	CDON	chr11:125826712-12593318	0.282095	0.253448	-0.154492	1

XLOC_005630	CCDC41	chr12:94702055-94853764	1.62073	1.4562	-0.154434	0.920694
XLOC_003195	LOC387723	chr10:131862161-13190901	0.935463	0.840515	-0.154407	0.950929
XLOC_015694	SLC26A6	chr3:48663155-48672926	9.32383	8.37791	-0.154332	0.891905
XLOC_007105	HERC2P9	chr15:28899587-28930410	3.34871	3.00917	-0.15424	0.907657
XLOC_005195	ULK1	chr12:132379278-13240771	7.08719	6.36862	-0.154233	0.881073
XLOC_023565	ALG13	chrX:110924345-111003871	4.33404	3.89466	-0.154215	0.898291
XLOC_017744	TTC37	chr5:94799598-94890709	1.50446	1.35195	-0.154209	0.908129
XLOC_012590	FZD7	chr2:202899309-202903161	4.08444	3.67052	-0.154155	0.904096
XLOC_011603	LOC100506469	chr19:36024313-36038429	6.39888	5.75069	-0.154085	0.989268
XLOC_001073	CNIH3	chr1:224804178-224928245	0.0175888	0.0158073	-0.154065	1
XLOC_001550	SELR1	chr1:53152013-53164038	4.90144	4.40525	-0.153984	0.905963
XLOC_006443	CCDC176	chr14:74486058-74551196	0.380232	0.34178	-0.153814	0.979701
XLOC_017477	RANBP17	chr5:170288895-170727015	0.405022	0.364075	-0.153765	0.950929
XLOC_022720	KIAA2026	chr9:5919007-6008003	0.645925	0.580639	-0.153725	0.92969
XLOC_010795	UPK1A	chr19:36157714-36169367	0.0600351	0.0539676	-0.153712	1
XLOC_010625	MR1	chr19:13875336-13885096	12.199	10.9668	-0.153618	0.874082
XLOC_007748	C15orf40	chr15:83654954-83680393	14.7258	13.2386	-0.153597	0.963209
XLOC_012588	STRADB	chr2:202316391-202345574	19.0098	17.0902	-0.153576	0.868396
XLOC_010060	OGFOD3	chr17:80347085-80408707	5.88333	5.28953	-0.153493	0.963773
XLOC_009873	MTMR4	chr17:56566892-56595251	7.72138	6.94234	-0.153436	0.865379
XLOC_016185	HTT	chr4:3076407-3245687	4.6843	4.21195	-0.153346	0.865806
XLOC_014874	SCUBE1	chr22:43599228-43739394	0.0124852	0.0112264	-0.153321	1
XLOC_018393	RWDD2A	chr6:83777384-83906256	3.85845	3.46956	-0.153269	0.980098
XLOC_005492	ATP5G2	chr12:54058943-54070512	820.453	737.793	-0.153204	0.863051
XLOC_000689	SCNM1_TNFAIP8L2_TNFAIP	chr1:151129104-151148547	11.6185	10.448	-0.153196	0.905157
XLOC_021120	POM121C	chr7:75039623-75115568	11.4098	10.2609	-0.153125	0.880018
XLOC_007875	DNASE1L2	chr16:2286467-2288712	2.09117	1.88069	-0.153047	0.958445
XLOC_009219	MRC2	chr17:60704761-60770962	0.0134056	0.0120568	-0.152988	1
XLOC_016993	DDX60L	chr4:169277885-169401631	0.311933	0.280552	-0.152967	1
XLOC_023876	FAM156A_FAM156B	chrX:52976463-53024651	0.504918	0.454153	-0.152873	0.961
XLOC_016137	TNK2	chr3:195590235-195635881	8.89415	7.99992	-0.152872	0.879274
XLOC_014516	SF11	chr22:31892124-32026810	7.03165	6.32471	-0.152862	0.958902
XLOC_017093	C5orf22	chr5:31532372-31555165	3.29946	2.96807	-0.152704	0.898814
XLOC_004069	SBF2	chr11:9776316-10315754	2.23052	2.00651	-0.152694	0.92867
XLOC_020640	AP4M1	chr7:99690403-99723128	26.0574	23.444	-0.152474	0.986822
XLOC_014533	APOL6	chr22:36044423-36064456	0.162861	0.146529	-0.152454	1
XLOC_008862	ARHGAP44	chr17:12692828-12921381	3.15551	2.83907	-0.152451	0.979875
XLOC_009007	MRM1	chr17:34958024-34965407	8.25741	7.42948	-0.152428	0.910788
XLOC_012562	INPP1	chr2:191208195-191236397	11.2084	10.0847	-0.152413	0.887208
XLOC_012313	ARID5A	chr2:97202463-97218371	10.9052	9.81246	-0.152326	0.902703
XLOC_008616	TRADD	chr16:67188088-67193812	10.6722	9.60313	-0.152282	0.919186
XLOC_017146	ZSWIM6	chr5:60628099-60841999	2.17948	1.96117	-0.152265	0.907651
XLOC_015131	PARP3	chr3:51976360-51982883	12.3835	11.1436	-0.152202	0.877187
XLOC_014026	ADNP	chr20:49506882-49547527	10.7021	9.6309	-0.152155	0.863259
XLOC_015460	USP13	chr3:179370932-179507185	1.6568	1.491	-0.152125	0.898291
XLOC_009015	MRPL45	chr17:36452988-36479101	52.1499	46.9322	-0.152089	0.863458
XLOC_009535	ATPAF2	chr17:17921333-17942480	10.4788	9.43089	-0.152002	0.905942
XLOC_013031	KRCC1	chr2:88326723-88355248	2.65293	2.38773	-0.151951	0.92969
XLOC_002065	RGS16	chr1:182567757-182573548	5.08332	4.57529	-0.151906	0.909768
XLOC_001108	NTPCR	chr1:233086369-233114215	40.5752	36.5213	-0.151861	0.881851
XLOC_010150	TTC39C	chr18:21572736-21715574	24.7496	22.2768	-0.151861	0.943036
XLOC_016835	LOC100506746	chr4:87846045-87856002	0.609573	0.548746	-0.151659	0.959465
XLOC_022485	SMC2	chr9:106856540-106903701	4.80581	4.32626	-0.151656	0.874709
XLOC_018690	LOC285819	chr6:26458152-26482737	0.394293	0.354956	-0.151627	0.988533
XLOC_012963	TIA1	chr2:70436575-70475779	7.04596	6.34332	-0.151559	0.872554
XLOC_018496	AKAP7	chr6:131456825-131604671	0.927979	0.83545	-0.151539	0.948088
XLOC_009050	TMEM99	chr17:38974368-38992526	10.0182	9.0198	-0.151453	0.952905
XLOC_000932	RNF2	chr1:185014550-185071741	9.22931	8.31041	-0.151303	0.871957
XLOC_021662	CPNE3	chr8:87526655-87573726	21.9108	19.73	-0.151256	0.865907
XLOC_007626	OAZ2	chr15:64979772-64995462	38.6425	34.7976	-0.151199	0.86338
XLOC_020510	ZNF107	chr7:64126510-64171401	0.733647	0.660673	-0.151115	0.934181
XLOC_007821	DECR2	chr16:451857-462487	19.3686	17.4427	-0.151091	0.898524
XLOC_009863	VEZF1	chr17:56048909-56065615	7.38731	6.65431	-0.150759	0.8725
XLOC_015475	DVL3	chr3:183873283-183891314	17.4482	15.7171	-0.150746	0.867342
XLOC_007567	SECISBP2L	chr15:49280834-49338760	2.04424	1.84143	-0.150738	0.898291
XLOC_012976	SFXN5	chr2:73169164-73298965	0.795298	0.716451	-0.150628	0.949739
XLOC_000008	PLEKHN1	chr1:901876-910484	1.8532	1.66947	-0.150627	0.950002
XLOC_015163	KCTD6	chr3:58477822-58488087	6.10553	5.50023	-0.150624	0.916337
XLOC_015024	ACVR2B	chr3:38492517-38534633	1.32093	1.18999	-0.1506	0.902188
XLOC_008980	CDK5R1	chr17:30814104-30818271	2.53797	2.2867	-0.150407	0.917687
XLOC_005552	METTL1	chr12:58162350-58165914	8.18523	7.37516	-0.150348	0.913628
XLOC_019094	SGK1	chr6:134490383-134639196	2.7049	2.43729	-0.150298	0.931473
XLOC_019078	MED23	chr6:131894343-131949375	1.86471	1.68024	-0.150279	0.913628
XLOC_015073	CXCR6	chr3:45959390-46037316	0.0251473	0.0226603	-0.15024	1
XLOC_003870	TMEM136	chr11:120195837-12020438	4.35133	3.92111	-0.150191	0.898291
XLOC_002937	FLJ31813	chr10:51780941-51827563	0.416747	0.37555	-0.150168	0.966946
XLOC_022106	UQCRR	chr8:97238903-97247862	56.7257	51.1188	-0.150149	0.874179
XLOC_012425	MZT2B	chr2:130908964-130948301	411.259	370.623	-0.150096	0.909694
XLOC_006472	ADCK1	chr14:78266425-78400297	3.65804	3.29677	-0.150017	0.92844

XLOC_002783	DIP2C	chr10:320129-735608	2.3794	2.14443	-0.149999	0.897241
XLOC_002111	LMOD1	chr1:201865583-201915716	0.152614	0.137545	-0.149987	1
XLOC_015046	ZBTB47	chr3:42695175-42709072	1.70852	1.53994	-0.149867	0.922365
XLOC_007804	TM2D3	chr15:102182048-10219258	19.7779	17.8266	-0.149859	0.889643
XLOC_014067	LOC100127888	chr20:61273796-61303647	1.13151	1.02003	-0.149635	0.990857
XLOC_009771	HDAC5	chr17:42154120-42201014	17.2331	15.5357	-0.149599	0.866932
XLOC_013348	FN1	chr2:216225178-21630079	0.0232602	0.0209695	-0.14957	1
XLOC_002160	YOD1	chr1:207217193-20722632	1.9415	1.75031	-0.149565	0.902692
XLOC_006351	FRMD6	chr14:51921229-52197444	17.5146	15.7901	-0.14954	0.869283
XLOC_014549	H1FO	chr22:38201113-38203443	223.672	201.652	-0.149518	0.872117
XLOC_014427	CRKL	chr22:21271713-21308037	13.3994	12.0803	-0.149508	0.869885
XLOC_002646	SEMA4G	chr10:102732285-1027472	4.44485	4.00734	-0.14949	0.972989
XLOC_015170	ATXN7	chr3:63850232-63989136	1.6755	1.51059	-0.149479	0.910582
XLOC_007440	WASH3P	chr15:102501015-1025192	13.5413	12.2091	-0.149411	0.887208
XLOC_017448	THG1L	chr5:157158322-15716677	22.1927	20.01	-0.149367	0.88621
XLOC_002360	VIM	chr10:17270257-17279592	7.51375	6.77548	-0.14921	0.912776
XLOC_006661	C14orf79	chr14:105452615-1054618	5.67432	5.1172	-0.149093	0.915898
XLOC_001343	LOC729059	chr1:23337326-23342343	0.0464973	0.0419338	-0.149032	1
XLOC_010329	ZSCAN30	chr18:32820993-32870196	1.32565	1.1957	-0.148843	0.954559
XLOC_018004	MAPK9	chr5:179660594-17971907	10.8879	9.82284	-0.148521	0.872955
XLOC_012928	PUS10	chr2:61167547-61279125	0.393686	0.355217	-0.148343	0.986822
XLOC_015809	TMF1	chr3:69068977-69101484	3.05679	2.75863	-0.148067	0.88884
XLOC_011043	TBC1D17	chr19:50380681-50392007	11.9963	10.8262	-0.148067	0.901475
XLOC_005143	UNC119B	chr12:121148237-1211614	10.7803	9.72941	-0.147974	0.876899
XLOC_008608	CMTM4	chr16:66648652-66730610	12.2003	11.0111	-0.147969	0.877363
XLOC_022572	STXBP1	chr9:130374485-13045499	17.0179	15.3601	-0.147865	0.873414
XLOC_001658	BCAR3	chr1:94027342-94312706	6.50732	5.87349	-0.147845	0.898567
XLOC_013001	GCFC2	chr2:75889831-75938111	12.0951	10.9172	-0.147819	0.926225
XLOC_016822	SEC31A	chr4:83739813-83812419	6.54373	5.90654	-0.147801	0.885255
XLOC_008737	DBNDD1	chr16:90071278-90085937	43.3373	39.1179	-0.14778	0.872554
XLOC_005964	FRP1	chr13:98795433-99102023	14.2959	12.9041	-0.147777	0.872117
XLOC_003241	LOC255512	chr11:1330937-1331937	3.01088	2.71795	-0.147665	0.962439
XLOC_006114	ESD	chr13:47345390-47371367	59.3675	53.5958	-0.147554	0.869746
XLOC_006794	DNAAF2	chr14:50091891-50101948	6.99398	6.31407	-0.147543	0.9061
XLOC_014152	MRPS6,SLCSA3	chr21:35445822-35515334	63.0759	56.9481	-0.147442	0.891905
XLOC_021780	GSDMD	chr8:144635556-14464523	48.6502	43.9265	-0.147354	0.878112
XLOC_009832	ZNFX2	chr17:47366567-47439835	0.885796	0.799825	-0.14729	0.909694
XLOC_009660	CACNB1	chr17:37329708-37353956	4.73818	4.27833	-0.147287	0.907651
XLOC_012765	TMEM18	chr2:667972-677439	17.4256	15.7347	-0.147258	0.879514
XLOC_003830	NNMT	chr11:114166534-1141832	0.0117312	0.0105935	-0.14717	1
XLOC_004125	KIF18A	chr11:28042162-28129746	1.53113	1.38267	-0.147135	0.928457
XLOC_010356	SMAD2	chr18:45359465-45457517	5.7467	5.18968	-0.147087	0.868833
XLOC_020995	LOC401320	chr7:30587972-30617395	0.594744	0.53711	-0.147052	0.950929
XLOC_014228	DIP2A	chr21:47878861-47989926	4.10233	3.70492	-0.147002	0.919029
XLOC_006325	BRMS1L	chr14:36295596-36341169	2.3022	2.07919	-0.146988	0.928035
XLOC_011554	GMIP	chr19:19740284-19754455	16.2067	14.6372	-0.146945	0.877493
XLOC_017437	SAP30L	chr5:153825516-15384061	3.07669	2.77886	-0.146888	0.895926
XLOC_016403	FGF5	chr4:81187741-81212171	0.587953	0.531049	-0.146856	0.943036
XLOC_016503	LARP1B	chr4:128982502-12913228	5.34365	4.82666	-0.146802	0.900578
XLOC_009117	MAP3K14-AS1	chr17:43325302-43394414	0.853949	0.771331	-0.1468	0.991767
XLOC_019122	ADAT2	chr6:143743968-14377184	2.19002	1.97814	-0.146793	0.903682
XLOC_004397	FCHSD2	chr11:72547789-72853143	4.18548	3.78069	-0.146741	0.898376
XLOC_000061	VAMP3	chr1:7831328-7841492	23.8334	21.5303	-0.146616	0.878867
XLOC_008472	COG7	chr16:23399813-23464512	6.09656	5.50753	-0.146589	0.907689
XLOC_022356	ALDH1B1	chr9:38392660-38398662	21.3561	19.2954	-0.146392	0.873144
XLOC_014507	OSBP2	chr22:31090792-31303811	5.1481	4.65137	-0.146384	0.904636
XLOC_000253	IQCC	chr1:32671235-32674288	1.67406	1.51253	-0.146384	0.942519
XLOC_007589	FAM214A	chr15:52873517-52970820	1.39516	1.26054	-0.146382	0.925753
XLOC_013981	LOC79015	chr20:43285091-43300380	0.0256871	0.0232097	-0.14632	1
XLOC_019031	MICAL1	chr6:109765265-10977719	16.7186	15.1066	-0.14628	0.878504
XLOC_001565	SSBP3	chr1:54692194-54872092	13.8487	12.514	-0.146207	0.898751
XLOC_022531	CNTRL	chr9:123850573-12393988	1.90784	1.72412	-0.146083	0.89937
XLOC_023982	ARMCX2	chrX:100910267-10091486	0.149986	0.135553	-0.145969	1
XLOC_011812	CA11	chr19:49141271-49185502	12.0181	10.8619	-0.145926	0.907688
XLOC_016845	FAM13A	chr4:89630939-89978346	1.44435	1.30541	-0.145925	0.922365
XLOC_001009	DYRK3	chr1:206808880-20682254	10.5942	9.57584	-0.145802	0.895818
XLOC_000089	PLOD1	chr1:11994723-12035599	126.587	114.421	-0.145784	0.880112
XLOC_019041	TRAF3IP2	chr6:111804674-11192747	4.29265	3.88015	-0.145758	0.902851
XLOC_009769	TMEM101	chr17:42088555-42092345	40.3995	36.5174	-0.145753	0.877493
XLOC_017863	HDAC3	chr5:141000442-14101642	72.2794	65.3393	-0.145633	0.876899
XLOC_004030	FAM160A2	chr11:6232563-6255941	9.78659	8.84706	-0.145607	0.895904
XLOC_015601	TBC1D5	chr3:17198653-17784240	3.91187	3.53642	-0.145568	0.889643
XLOC_005158	LOC100507066	chr12:122755980-1229071	0.0189002	0.0170862	-0.145565	1
XLOC_006228	PCID2	chr13:113831852-1138630	28.7665	26.0064	-0.145525	0.876899
XLOC_002828	NMT2	chr10:15147770-15210695	3.77914	3.41659	-0.145498	0.896507
XLOC_010967	PRR24	chr19:47777658-47778980	24.4197	22.0798	-0.145318	0.932042
XLOC_004731	ETV6	chr12:11802787-12079107	2.12879	1.92493	-0.145231	0.909435
XLOC_016407	THAP9	chr4:83814604-83841284	1.02063	0.922941	-0.145146	0.979701
XLOC_023109	CRAT	chr9:131857072-13187307	82.7262	74.8085	-0.145143	0.869168

XLOC_012880	SOS1	chr2:39208689-39347604	1.95859	1.7713	-0.14501	0.902188
XLOC_020985	HIBADH	chr7:27565058-27702620	13.5596	12.2639	-0.144889	0.893751
XLOC_010349	PIAS2	chr18:44390022-44497495	10.4699	9.46967	-0.144858	0.880786
XLOC_016325	EXOC1	chr4:56719815-56771244	6.21849	5.62446	-0.144851	0.89272
XLOC_004698	CLSTN3	chr12:7282966-7311530	9.42004	8.52018	-0.144849	0.892764
XLOC_002377	BMI1,COMMD3,COMMD3-B	chr10:22605311-22620414	79.8957	72.2636	-0.144849	0.913628
XLOC_021069	FKBP9L	chr7:55748766-55772260	0.573403	0.518688	-0.144683	0.964511
XLOC_006812	ERO1L	chr14:53108604-53162419	38.4314	34.7649	-0.144653	0.885254
XLOC_014036	BCAS1	chr20:52560078-52687304	0.0083789	0.00757995	-0.144572	1
XLOC_001813	VPS72	chr1:151148775-151162685	42.6877	38.6182	-0.144541	0.877493
XLOC_022399	GCNT1	chr9:79056581-79122332	1.03189	0.933642	-0.14435	0.931471
XLOC_014754	NIPSNAP1	chr22:29950797-29977326	77.388	70.0198	-0.144347	0.872056
XLOC_014223	COL6A1	chr21:47401662-47424963	21.9802	19.888	-0.14431	0.882592
XLOC_015425	IL12A	chr3:159706622-159713801	1.56299	1.41429	-0.144227	0.954866
XLOC_016482	METTL14	chr4:119606573-119632071	3.33815	3.02109	-0.143979	0.922247
XLOC_013872	DZANK1	chr20:18364010-18447829	0.247703	0.224179	-0.143961	1
XLOC_002489	DDX50	chr10:70661033-70706603	28.3919	25.7009	-0.14366	0.877483
XLOC_009018	MLLT6	chr17:36861872-36886056	17.6539	15.9818	-0.143562	0.877493
XLOC_005453	BIN2	chr12:51674821-51717938	0.00652496	0.00590738	-0.14345	1
XLOC_018790	PBX2	chr6:32152509-32157963	29.5926	26.7931	-0.143373	0.877191
XLOC_022516	RGS3	chr9:116207008-116360021	10.1964	9.23248	-0.143269	0.918342
XLOC_017870	SPRY4	chr5:141689991-141704621	44.9552	40.7059	-0.143249	0.877493
XLOC_000032	PRKCZ	chr1:1981908-2144159	18.8413	17.0607	-0.143222	0.959465
XLOC_009750	CCR10	chr17:40831419-40833845	24.911	22.5584	-0.143123	0.918917
XLOC_022708	C9orf66	chr9:213107-465259	0.360641	0.326592	-0.143075	0.986822
XLOC_018352	FBX09	chr6:52929795-52965670	6.19938	5.61416	-0.143054	0.893663
XLOC_000519	SLC44A3	chr1:95285897-95360803	0.931757	0.843843	-0.142979	0.954768
XLOC_008184	THAP11	chr16:67862059-67905219	27.0441	24.4928	-0.142956	0.979701
XLOC_016134	PPP1R2	chr3:195241220-195270221	10.4929	9.50316	-0.142936	0.881368
XLOC_000512	MTF2	chr1:93544791-93604638	6.11782	5.54095	-0.142883	0.887208
XLOC_005563	C12orf66	chr12:64586418-64616076	1.03206	0.93475	-0.142874	0.95534
XLOC_001097	RABA4,SPHAR	chr1:229406808-229441641	9.69666	8.78267	-0.142829	0.885624
XLOC_012659	ANKZF1	chr2:220094478-220101391	42.5464	38.5366	-0.142807	0.880112
XLOC_021237	POLR2J2,UPK3BL	chr7:102277194-102312171	49.4938	44.84	-0.142462	0.882107
XLOC_007897	PAQR4	chr16:3019341-3030540	26.5314	24.0376	-0.142408	0.960403
XLOC_003623	SIPA1	chr11:65405577-65418391	14.4134	13.0592	-0.142349	0.89952
XLOC_002332	PFKFB3	chr10:6186842-6277507	20.9989	19.0271	-0.142263	0.886345
XLOC_015234	CEP97	chr3:101443493-101486181	0.489933	0.44393	-0.142252	0.952905
XLOC_000976	LGR6	chr1:202163117-202288885	0.0351899	0.0318865	-0.142216	1
XLOC_010053	RFNG	chr17:80005777-80009650	68.4423	62.0174	-0.142214	0.876899
XLOC_005255	LPCAT3	chr12:7085346-7125842	12.1908	11.047	-0.142135	0.906895
XLOC_005443	RACGAP1	chr12:50382944-50419307	15.7068	14.2334	-0.142106	0.879396
XLOC_009683	KRT10	chr17:38974368-38992526	18.4686	16.7361	-0.142105	0.928902
XLOC_021139	HGF	chr7:81331443-81399452	3.36658	3.05079	-0.142105	0.947008
XLOC_006106	SLC25A30	chr13:45967453-45992516	0.495267	0.448857	-0.141952	0.95835
XLOC_001200	MXRA8	chr1:1288070-1293915	0.482282	0.437091	-0.141944	0.977103
XLOC_013069	REV1	chr2:100016937-100106481	2.74056	2.48386	-0.141888	0.912689
XLOC_011739	ZNF235	chr19:44790500-44809178	0.298015	0.270117	-0.141802	1
XLOC_001335	HP1BP3	chr1:21069170-21113181	27.0716	24.5387	-0.14172	0.879045
XLOC_010417	PQLC1	chr18:77662419-77711653	41.2269	37.3699	-0.141709	0.878666
XLOC_001526	MOB3C	chr1:47073386-47082563	5.49789	4.98378	-0.141637	0.909164
XLOC_000599	FAM19A3	chr1:113263188-113269851	1.08608	0.98454	-0.141607	0.966946
XLOC_001118	TBCE	chr1:235530727-235667781	5.14434	4.66346	-0.141588	0.971121
XLOC_004035	ARFIP2	chr11:6495912-6505911	10.1027	9.15869	-0.141524	0.929652
XLOC_002278	AKT3	chr1:243419306-244006881	1.67943	1.52252	-0.141513	0.914427
XLOC_000235	RNU11	chr1:28975111-28975246	32.2445	29.2332	-0.141442	0.981044
XLOC_011631	ZNF585B	chr19:37672480-37701451	0.915524	0.830059	-0.141384	0.933417
XLOC_004678	PTMS	chr12:6875540-6880118	219.636	199.134	-0.141379	0.883938
XLOC_003186	DHX32	chr10:127512103-12756981	13.6717	12.3967	-0.141235	0.958814
XLOC_021347	JHDM1D	chr7:139784545-139876741	1.91369	1.73534	-0.141143	0.90437
XLOC_001334	SH2D5	chr1:21046224-21059133	0.432669	0.392374	-0.141033	0.965573
XLOC_011356	SLC25A23	chr19:6440074-6459781	35.3582	32.066	-0.140997	0.878089
XLOC_014830	NPTXR	chr22:39214455-39240017	0.250721	0.227387	-0.140935	1
XLOC_014612	PARVB	chr22:44395090-44565112	37.2575	33.7901	-0.140929	0.88245
XLOC_002743	HMX3	chr10:124895566-12489721	0.702161	0.636869	-0.140804	0.982629
XLOC_017855	APBB3	chr5:139937852-139944181	7.36403	6.67952	-0.140753	0.919921
XLOC_008351	SNORA64	chr16:2012061-2014827	8.80921	7.99057	-0.140715	0.990324
XLOC_000185	RCAN3	chr1:2482822-24863510	3.32509	3.01636	-0.140586	0.930066
XLOC_022718	PLGRKT	chr9:5357966-5437937	12.8587	11.6666	-0.140371	0.919029
XLOC_011011	CGB5	chr19:49547101-49548568	0.188568	0.17109	-0.140324	1
XLOC_001123	MTR	chr1:236958580-237067281	1.74437	1.5827	-0.140323	0.907651
XLOC_003020	ANXA11	chr10:81914879-81965328	70.1063	63.6135	-0.140211	0.884392
XLOC_021208	GNC2	chr7:99767228-99774990	1.76698	1.60339	-0.140157	0.954677
XLOC_011222	ZNF548	chr19:57901217-57913919	1.5984	1.45049	-0.140093	0.928653
XLOC_010627	ZSWIM4	chr19:13906273-13943044	6.14981	5.58148	-0.139894	0.912776
XLOC_007686	UBL7	chr15:74738371-74753529	53.5393	48.5972	-0.139725	0.88709
XLOC_020599	CDK14	chr7:90338711-90839904	0.0134172	0.0121789	-0.139705	1
XLOC_015199	ZNF654	chr3:88101099-88207115	1.69119	1.53511	-0.139692	0.979484
XLOC_023107	DOLK	chr9:131707808-131769371	18.9576	17.2089	-0.139617	0.979701

XLOC_008559	NETO2	chr16:47115430-471177936	11.9891	10.8834	-0.139589	0.890622
XLOC_008138	ARL2BP	chr16:57279037-57287545	35.3379	32.0845	-0.139339	0.887208
XLOC_007560	SHF	chr15:45459411-45493373	5.17951	4.70265	-0.139339	0.922712
XLOC_005817	ATP12A	chr13:25254548-25285923	0.0138774	0.0126004	-0.139267	1
XLOC_011031	PRRG2	chr19:50084586-50094265	0.788978	0.716429	-0.139116	0.974044
XLOC_000634	NOTCH2NL	chr1:145209110-145285912	6.24565	5.67158	-0.139101	0.893535
XLOC_009519	NCOR1	chr17:15933407-16118874	1.6046	1.45714	-0.13907	0.917325
XLOC_021480	ZDHHC2	chr8:17013835-17080241	6.49347	5.89682	-0.139054	0.896116
XLOC_004704	FOXJ2	chr12:8185358-8208118	2.58137	2.34461	-0.138786	0.914446
XLOC_004871	SP1	chr12:53773978-53810226	8.01515	7.28016	-0.138759	0.889553
XLOC_022022	VCPIP1	chr8:67542487-67579452	2.50988	2.27979	-0.138721	0.904636
XLOC_022734	BNC2	chr9:16409500-16870786	0.834287	0.757866	-0.138602	0.917325
XLOC_020428	FAM188B,INMT	chr7:30791750-30932002	0.772743	0.702007	-0.138502	0.958201
XLOC_000362	MMACHC	chr1:45965855-45988562	2.67953	2.43434	-0.138451	0.948088
XLOC_018800	TBC1D9B	chr5:179289070-179334854	29.8404	27.1101	-0.138437	0.887208
XLOC_001389	IFI6	chr1:27992571-27998724	4.36937	3.96967	-0.138406	0.958201
XLOC_008617	KIAA0895L	chr16:67204399-67217883	5.617	5.1033	-0.138369	0.954768
XLOC_010996	CYTH2	chr19:48972464-48985571	18.923	17.1928	-0.138332	0.88709
XLOC_021128	SRCRB4D	chr7:76018645-76071388	0.582727	0.529463	-0.138291	0.989879
XLOC_017531	LTC4S	chr5:179220985-179223511	1.35259	1.22902	-0.138212	0.982349
XLOC_008102	CHD9	chr16:53088944-53361414	1.82466	1.658	-0.138182	0.902585
XLOC_013972	EMILIN3	chr20:39969559-39995498	3.67428	3.33889	-0.138092	0.957206
XLOC_011494	SLC1A6	chr19:15060844-15121455	0.00633099	0.00575317	-0.138075	1
XLOC_003747	TMEM135	chr11:86748885-87039876	2.45132	2.22767	-0.138022	0.898626
XLOC_017861	TAFF7	chr5:140698056-140700351	33.6951	30.6229	-0.137928	0.889442
XLOC_010114	TWSG1	chr18:9334764-9402418	8.7119	7.9188	-0.137707	0.895717
XLOC_015586	XPC	chr3:14186647-14220172	11.3179	10.2878	-0.137673	0.89718
XLOC_012878	DHX57	chr2:39024875-39103021	3.06794	2.78872	-0.137666	0.912767
XLOC_002565	LOC439994	chr10:88998423-89103331	3.22533	2.93196	-0.137579	0.985982
XLOC_000047	LOC100133612	chr1:3816967-3832011	0.0700266	0.0636644	-0.137416	1
XLOC_013980	ADA	chr20:43248162-43280376	22.3013	20.2759	-0.137364	0.904448
XLOC_014300	PAXBP1	chr21:34100424-34144169	10.3919	9.44861	-0.137289	0.902188
XLOC_016249	BST1	chr4:15704572-15733796	0.411944	0.37455	-0.137289	0.978981
XLOC_018518	SLC35D3	chr6:137243401-137246771	0.0263454	0.0239548	-0.137239	1
XLOC_023595	ZBTB33	chrX:119384606-119392251	3.81953	3.47311	-0.137167	0.906895
XLOC_003926	JAM3	chr11:133938819-13402161	0.752619	0.684379	-0.137125	0.955758
XLOC_007822	RAB11FIP3	chr16:475667-572481	15.8365	14.4007	-0.137117	0.894473
XLOC_008209	PDPR	chr16:70147528-70195184	1.87164	1.70197	-0.137092	0.917325
XLOC_010483	FZR1	chr19:3506294-3536755	25.6712	23.3457	-0.136993	0.894911
XLOC_005762	HCAR2	chr12:123185839-12318791	0.00890834	0.00810234	-0.136818	1
XLOC_014832	CBX7	chr22:39526778-39548538	10.8994	9.914	-0.136704	0.902351
XLOC_020568	SRRM3	chr7:75831215-75916605	12.1239	11.0279	-0.13669	0.905695
XLOC_023272	MOSP2D	chrX:14891526-14939459	0.863426	0.785432	-0.136587	0.950929
XLOC_013169	DARS	chr2:136664253-136743222	60.6491	55.1717	-0.136557	0.892082
XLOC_017520	N4BP3	chr5:177540555-177553101	4.89663	4.45442	-0.136549	0.909435
XLOC_021317	COG2,TSGA13	chr7:130126015-130371401	13.8158	12.5687	-0.13649	0.954677
XLOC_005206	ZNF26	chr12:133562933-13358911	4.47958	4.07556	-0.136364	0.915538
XLOC_017976	PRRT-AS1	chr5:176853686-176883281	0.67415	0.613356	-0.136345	0.995302
XLOC_016518	GAB1	chr4:144257982-144395711	0.286953	0.261088	-0.136275	1
XLOC_008563	SIAH1	chr16:48274602-48420559	10.7331	9.76667	-0.136122	0.97314
XLOC_002566	FAM22D	chr10:89117476-89130452	0.119096	0.108377	-0.136071	1
XLOC_021777	GLI4	chr8:144349606-144359101	31.2944	28.4787	-0.136023	0.918898
XLOC_023811	SRPX	chrX:3800587-38080177	13.4111	12.2047	-0.135987	0.912308
XLOC_002618	LCOR	chr10:98592016-98724198	1.3574	1.23533	-0.135958	0.921047
XLOC_001047	PROX1	chr1:214161277-214214847	0.0430509	0.0391797	-0.135938	1
XLOC_013042	GPAT2	chr2:96676298-96700727	0.0837015	0.0761752	-0.135931	1
XLOC_009975	UNC13D	chr17:73823307-73840798	0.657445	0.598345	-0.135892	0.958902
XLOC_015358	IL20RB	chr3:136676706-136729921	0.19819	0.18039	-0.135765	1
XLOC_008154	NDRG4	chr16:58497548-58547523	4.72142	4.29787	-0.135599	0.922257
XLOC_018903	CYP39A1	chr6:46517444-46620523	0.448657	0.408417	-0.135571	0.967901
XLOC_010302	ESCO1	chr18:19109261-19180693	2.07538	1.88948	-0.135383	0.925384
XLOC_022403	CEP78	chr9:80850990-80881983	4.42721	4.03069	-0.13537	0.921047
XLOC_016277	TBC1D1	chr4:37892704-38140796	16.9241	15.4084	-0.135356	0.90314
XLOC_001528	EFCAB14	chr1:47139707-47184736	6.43949	5.86303	-0.1353	0.898732
XLOC_007118	KLF13	chr15:31619082-31670102	6.66874	6.07214	-0.135208	0.898524
XLOC_003892	TBRG1	chr11:124492741-12456461	4.76785	4.3416	-0.135114	0.952905
XLOC_021515	SLC25A37	chr8:23386362-23430063	21.7806	19.8337	-0.13509	0.904636
XLOC_017621	RICTOR	chr5:38938021-39074501	1.58357	1.44203	-0.135076	0.914351
XLOC_015288	SLC15A2	chr3:121613170-121663031	0.0218619	0.0199082	-0.135057	1
XLOC_024178	IDH3G	chrX:153051220-153063961	67.6245	61.5856	-0.134953	0.972601
XLOC_009961	HID1	chr17:72946838-72968900	19.4256	17.6909	-0.13495	0.900463
XLOC_015726	MST1R	chr3:49924435-49941306	5.21786	4.75195	-0.134939	0.912776
XLOC_021299	GCC1	chr7:127220681-127225651	7.23439	6.58854	-0.134913	0.906895
XLOC_015088	PTPN23	chr3:47422490-47454931	7.31131	6.65888	-0.134851	0.907651
XLOC_005772	RILPL2	chr12:123899935-12392121	31.1227	28.3461	-0.134816	0.902309
XLOC_003959	KRTAP5-1	chr11:1490684-1785501	0.20741	0.188906	-0.134816	1
XLOC_013133	MAP3K2	chr2:128056244-128100801	1.53384	1.39701	-0.134812	0.909694
XLOC_021770	LY6K	chr8:143781528-143808391	0.170266	0.155076	-0.13481	1
XLOC_006743	CBLN3	chr14:24895739-24898731	0.173987	0.158476	-0.134712	1

XLOC_003210	SPRN	chr10:135207620-1352381	2.71626	2.47417	-0.134678	0.980098
XLOC_003849	TMEM25	chr11:118401802-1184367	0.057528	0.0524027	-0.134623	1
XLOC_003680	PPF1A1	chr11:70116805-70230607	6.03744	5.49961	-0.134609	0.905178
XLOC_006856	RAB15	chr14:65381078-65569413	12.2829	11.1887	-0.134601	0.973348
XLOC_006804	SAV1	chr14:51100297-51135071	14.6356	13.3342	-0.134351	0.89735
XLOC_018771	VWA7	chr6:31733370-31745108	0.0943203	0.085934	-0.134339	1
XLOC_021883	DLC1	chr8:12940871-13372429	21.0592	19.1873	-0.134297	0.896032
XLOC_007656	CALML4	chr15:68483042-68498448	2.18366	1.98958	-0.134282	0.927422
XLOC_004911	GDF11	chr12:56137063-56211540	4.62966	4.21825	-0.134261	0.963266
XLOC_021578	SGK196	chr8:42948656-42978323	0.435281	0.396614	-0.134212	0.976618
XLOC_020785	LOC100134229	chr7:139877060-13987944	4.83672	4.4071	-0.134197	0.929536
XLOC_018884	DNP1	chr6:43193366-43197211	181.082	165.022	-0.133986	0.898524
XLOC_004629	ZBTB44	chr11:130096573-1301846	2.91886	2.66008	-0.133932	0.906545
XLOC_012081	GAREML	chr2:26395959-26412532	7.68183	7.00129	-0.13383	0.913628
XLOC_009836	FAM117A	chr17:47787686-47841518	11.8151	10.7685	-0.133823	0.912689
XLOC_016794	BTC	chr4:75671447-75719882	0.0263891	0.0240521	-0.13378	1
XLOC_001881	LOC100505666	chr11:155006281-15504202	1.09657	0.999492	-0.13373	0.99351
XLOC_008181	PAR6A	chr16:67694850-67696681	17.4544	15.9093	-0.133722	0.926233
XLOC_016129	TMEM44	chr3:194304996-19435415	15.3868	14.025	-0.1337	0.916105
XLOC_015814	FOXP1	chr3:71003864-71633140	3.46493	3.15829	-0.133681	0.974169
XLOC_002057	LOC100527964	chr1:180199432-18024418	1.39181	1.26873	-0.133572	0.959709
XLOC_004423	PAK1	chr11:77033059-77185108	21.0026	19.1457	-0.133545	0.89982
XLOC_007435	LRRK1	chr15:101459459-1016103	1.37678	1.25513	-0.133463	0.931733
XLOC_009475	VAMP2	chr17:8062464-8066293	31.1243	28.3747	-0.133438	0.895479
XLOC_005574	MDM1	chr12:68688345-68726161	2.34274	2.13594	-0.133325	0.935062
XLOC_005862	COG6	chr13:40229763-40365802	2.89468	2.63933	-0.133234	0.919413
XLOC_008163	PDP2	chr16:66914382-66925002	2.16466	1.97373	-0.133214	0.918619
XLOC_014958	LINC00620	chr3:13692220-13788132	0.0342788	0.0312557	-0.133197	1
XLOC_008671	LOC283922	chr16:74366303-74402153	0.541302	0.493604	-0.133079	0.969075
XLOC_018081	KAAG1	chr6:24171982-24383520	0.603252	0.550155	-0.132924	0.987693
XLOC_013871	OVOL2	chr20:18004795-18038521	3.75006	3.42008	-0.132882	0.950929
XLOC_021919	GNRH1	chr8:25276773-25282556	0.693225	0.632246	-0.132838	0.970195
XLOC_005458	LOC283403	chr12:52599364-52604639	0.0131419	0.0119863	-0.132781	1
XLOC_004973	HELB	chr12:66696334-66737423	0.346414	0.315956	-0.132776	1
XLOC_011371	XAB2	chr19:7684410-7694439	32.5263	29.6668	-0.132755	0.898312
XLOC_008543	HERC2P4	chr16:32162608-32163874	1.09123	0.995329	-0.132715	0.970195
XLOC_000606	OLFML3	chr1:114522029-11452487	0.0198881	0.018141	-0.132655	1
XLOC_001234	NPHP4	chr1:5922869-6161253	2.31465	2.11133	-0.132644	0.987693
XLOC_004713	PHC1	chr12:9067315-9102357	4.20047	3.83157	-0.132614	0.985124
XLOC_003112	PSD	chr10:104162373-1041828	0.969825	0.884656	-0.132607	0.903024
XLOC_021039	NUDCD3	chr7:44421964-44530385	13.0101	11.8684	-0.132498	0.896051
XLOC_016861	TRMT10A	chr4:100467863-10048518	0.629829	0.574527	-0.132473	0.956807
XLOC_003155	RAB11FIP2	chr10:119764426-1198061	1.45502	1.32737	-0.132466	0.928755
XLOC_001677	DPH5	chr1:101455179-10149136	18.7467	17.1051	-0.132208	0.902458
XLOC_001956	DCAF8	chr1:160185504-16023235	14.1734	12.9329	-0.132146	0.906935
XLOC_022472	GALNT12	chr9:101569980-10161236	8.06953	7.36333	-0.132125	0.916105
XLOC_000363	AKR1A1	chr1:46016454-46035723	133.87	122.16	-0.132055	0.902188
XLOC_017875	PRELID2	chr5:145138581-14521489	7.15005	6.52523	-0.131925	0.919029
XLOC_003699	INPPL1	chr11:71935881-71955220	17.5607	16.0264	-0.131899	0.895818
XLOC_009527	FLCN	chr17:17115526-17140502	17.4152	15.8938	-0.131885	0.917325
XLOC_000938	PLA2G4A	chr1:186798031-18695811	1.56767	1.43073	-0.131872	0.944724
XLOC_004093	KCNJ11	chr11:17406795-17410878	6.22262	5.67905	-0.131871	0.926423
XLOC_000033	SKI	chr1:2160133-2241652	8.65676	7.90061	-0.131863	0.909489
XLOC_022661	GFPM1	chr9:139221931-13925405	49.6618	45.324	-0.131862	0.90608
XLOC_007655	IQCH-AS1	chr15:67493012-67819641	3.39526	3.09873	-0.131846	0.993379
XLOC_000558	TMEM167B	chr1:109633402-10963955	8.50547	7.76287	-0.131802	0.908471
XLOC_016015	MBNL1-AS1	chr3:151980404-15218356	0.125805	0.114821	-0.131802	1
XLOC_017857	NDUFA2	chr5:140019011-14002737	124.224	113.384	-0.131724	0.922312
XLOC_023978	TIMM8A	chrX:100600643-10060395	9.92291	9.05752	-0.131647	0.944724
XLOC_007913	ZNF174	chr16:3451189-3459364	4.02449	3.67363	-0.131599	0.943036
XLOC_002117	RAB1F	chr1:202847409-20285838	3.33204	3.04159	-0.131577	0.927627
XLOC_003338	TEAD1	chr11:12695968-12966284	4.4151	4.03027	-0.131569	0.905942
XLOC_010942	CD3EAP	chr19:45882891-45927177	2.10144	1.91831	-0.131546	0.956807
XLOC_008932	TNFAIP1	chr17:26662547-26684603	12.688	11.5824	-0.131533	0.972989
XLOC_017753	CHD1	chr5:98190907-98262238	2.94205	2.68569	-0.13153	0.913628
XLOC_021327	AKR1B1	chr7:134127106-13414388	0.0117559	0.0107316	-0.131518	1
XLOC_018050	TMEM14C	chr6:10723147-10731362	165.868	151.419	-0.131485	0.899649
XLOC_020437	FKBP9	chr7:32997004-33046543	10.1978	9.31085	-0.13127	0.904448
XLOC_009821	HOXB8	chr17:46689707-46692301	3.44706	3.14732	-0.131242	0.956807
XLOC_014683	ARVCF	chr22:19863039-20004309	15.2604	13.9341	-0.131177	0.976618
XLOC_011817	FUT1	chr19:49251267-49258647	3.4433	3.14407	-0.131158	0.929635
XLOC_003114	C10orf95	chr10:104209573-1042160	1.385	1.26465	-0.131148	0.991767
XLOC_002887	ZNF25	chr10:38238794-38265453	1.6076	1.46791	-0.131143	0.936616
XLOC_002505	UNC5B	chr10:72972291-73062635	1.85936	1.69786	-0.131082	0.935062
XLOC_010474	ZNF556	chr19:2867332-2878501	1.2315	1.1246	-0.131004	0.96125
XLOC_022972	CORO2A	chr9:100883256-10095495	6.17023	5.63471	-0.130983	0.908129
XLOC_001394	SNHG12	chr1:28879528-28908366	29.0057	26.4885	-0.130971	0.966946
XLOC_002042	RC3H1	chr1:173900351-17396221	1.39382	1.27292	-0.130908	0.920028
XLOC_010593	CCDC159	chr19:11457180-11465620	3.14301	2.87039	-0.130898	0.959465

XLOC_001723	RSBN1	chr1:114304453-114355070	2.16272	1.9752	-0.130844	0.918434
XLOC_018299	GLTSCR1L	chr6:42788793-42836296	0.636991	0.581779	-0.130804	0.952371
XLOC_003357	LDHA	chr11:18415935-18429765	1029.45	940.22	-0.130799	0.920028
XLOC_010807	WDR62	chr19:36545782-36596012	7.16413	6.54336	-0.130761	0.909694
XLOC_014705	TOP3B	chr22:22311402-22337147	8.10741	7.40505	-0.130733	0.917861
XLOC_014503	SEC14L2	chr22:30792929-30821291	8.27544	7.55855	-0.130727	0.916658
XLOC_005722	C12orf49	chr12:117153595-11717584	6.75033	6.16565	-0.130706	0.920712
XLOC_021602	SDCBP	chr8:59465727-59495419	78.2864	71.5103	-0.13061	0.904096
XLOC_010972	GLTSCR1	chr19:48111452-48206534	2.60543	2.38005	-0.130532	0.944601
XLOC_010530	ZNF557	chr19:7069470-7087978	1.97536	1.80451	-0.130503	0.929256
XLOC_007985	UQCRC2	chr16:21964608-21994668	94.5789	86.4006	-0.130477	0.899778
XLOC_017227	COX7C	chr5:85913783-85916583	1264	1154.72	-0.130455	0.906417
XLOC_017519	FAM153C	chr5:177433966-17747608	0.0152902	0.0139685	-0.130438	1
XLOC_018423	TSTD3	chr6:99968869-99981059	0.881159	0.804997	-0.13042	0.962241
XLOC_015707	USP19	chr3:49145478-49158371	9.36579	8.55645	-0.130388	0.909489
XLOC_007219	TMOD3	chr15:52121824-52204331	4.26667	3.89829	-0.13027	0.913628
XLOC_012873	CDC42EP3	chr2:37869024-37899678	2.15452	1.96856	-0.130231	0.928909
XLOC_017361	WDR55	chr5:140044383-14005317	17.2534	15.7643	-0.130221	0.917639
XLOC_014494	GAS2L1	chr22:29702996-29708774	17.0431	15.5735	-0.1301	0.917325
XLOC_014078	EEF1A2	chr20:62119364-62130668	0.03371	0.0308097	-0.129791	1
XLOC_000699	OAZ3	chr1:151732122-15174380	3.4704	3.17187	-0.129768	0.991767
XLOC_007927	SEC14L5	chr16:5008317-5069156	0.00279414	0.00255399	-0.129651	1
XLOC_003072	FRAT2	chr10:99092253-99094458	15.1081	13.8098	-0.129634	0.917687
XLOC_005742	LOC100506668	chr12:120907659-1209362	4.13831	3.78283	-0.129577	0.990857
XLOC_001246	UTS2	chr1:7907671-7913551	5.45142	4.98327	-0.129542	0.958201
XLOC_005989	CARKD	chr13:111267806-11129234	23.5597	21.5372	-0.129489	0.906545
XLOC_008155	SETD6	chr16:58549382-58663790	4.4415	4.06058	-0.129363	0.988571
XLOC_0011700	GRIK5	chr19:42502467-42569957	0.346384	0.316684	-0.12933	1
XLOC_013677	PABPC1L	chr20:43538702-43567962	5.97424	5.46263	-0.129158	0.937379
XLOC_016951	ANAPC10	chr4:145915726-14605067	6.67071	6.09971	-0.129101	0.986353
XLOC_010469	TMPRSS9	chr19:2389783-2427875	0.0354269	0.0323947	-0.129087	1
XLOC_006337	FAM179B	chr14:45431415-45543634	0.689731	0.6307	-0.12908	0.948179
XLOC_015244	DZIP3	chr3:108268717-10841369	1.04807	0.958388	-0.129052	0.966946
XLOC_000841	C1orf226	chr1:162348695-16235660	1.72576	1.57809	-0.129051	0.942026
XLOC_011410	ANGPTL6	chr19:10196805-10213425	3.68809	3.3727	-0.128968	0.978981
XLOC_0021757	TG	chr8:133879204-13414714	0.00201567	0.00184332	-0.128948	1
XLOC_004940	INHBC	chr12:57828542-57844609	0.018529	0.0169452	-0.128906	1
XLOC_011306	AES	chr19:3052907-3062964	205.625	188.055	-0.12886	0.907874
XLOC_015518	CCDC50	chr3:190984943-19111645	8.26777	7.56209	-0.128713	0.902957
XLOC_002277	CEP170	chr1:243287729-24341870	0.00178043	0.00162856	-0.128625	1
XLOC_009591	GIT1	chr17:27900486-27916610	42.5389	38.9105	-0.128624	0.903682
XLOC_009966	GBA3	chr17:73232693-73267311	12.0142	10.9897	-0.128592	0.966946
XLOC_021210	PMS2P1	chr7:99905324-99965454	11.6816	10.6856	-0.128563	0.979701
XLOC_010674	ANKLE1	chr19:17392453-17398454	0.453759	0.415074	-0.128557	0.971637
XLOC_016297	SLC30A9	chr4:41992522-42089551	14.7085	13.4547	-0.128537	0.906545
XLOC_018275	TBC1D22B	chr6:37179953-37300746	4.11417	3.76379	-0.128417	0.927966
XLOC_003351	KCNC1	chr11:17757494-17804602	0.0069653	0.00637256	-0.128314	1
XLOC_000438	RAVER2	chr1:65210777-65432187	5.06961	4.63829	-0.128282	0.976618
XLOC_014907	SBF1	chr22:50781745-50913464	9.54314	8.73127	-0.128272	0.950929
XLOC_010691	ARRDC2	chr19:18111943-18124911	16.5718	15.1622	-0.128256	0.913019
XLOC_018108	BTNA3A2	chr6:26365397-26378548	7.17998	6.56966	-0.12816	0.918953
XLOC_009067	HSPB9	chr17:40274755-40275371	0.103111	0.0943469	-0.128148	1
XLOC_009805	SCRN2	chr17:45908992-45918699	46.8136	42.8388	-0.128009	0.908551
XLOC_003783	TMEM133	chr11:100862810-1008646	0.636613	0.582569	-0.127986	0.966946
XLOC_015459	NDUFB5	chr3:179322574-17934228	67.8073	62.0515	-0.127975	0.906895
XLOC_013427	USP40	chr2:234384164-23447423	3.25014	2.9744	-0.127901	0.920028
XLOC_017800	KIF3A	chr5:132028322-13207326	1.68134	1.53871	-0.127886	0.930066
XLOC_011703	DEDD2	chr19:42702744-42724304	40.0271	36.6329	-0.127834	0.910891
XLOC_023065	DENND1A	chr9:126141932-126692417	13.6772	12.5177	-0.127806	0.913984
XLOC_018575	TULP4	chr6:158733691-15893285	1.49103	1.3647	-0.127724	0.927627
XLOC_012008	ZNF837	chr19:58878989-58892389	2.16084	1.97776	-0.127721	0.969308
XLOC_010173	ZNF271	chr18:32870235-32890730	3.5205	3.22232	-0.12768	0.918619
XLOC_006277	MMP14	chr14:23305792-23316803	14.7109	13.465	-0.127676	0.908586
XLOC_021939	DUSP4	chr8:29190578-29208267	0.562811	0.515144	-0.127673	0.958814
XLOC_001400	TMEM200B	chr1:29213602-29450421	6.81233	6.23584	-0.127564	0.967901
XLOC_009292	CDK3, TEN1	chr17:73937588-74002080	40.231	36.8273	-0.127532	0.956382
XLOC_010448	MIDN	chr19:1248551-1259142	14.5891	13.3554	-0.127468	0.918898
XLOC_008165	CES3	chr16:66995131-67009052	6.00939	5.50164	-0.127359	0.926446
XLOC_003619	FAM89B	chr11:65339819-65341669	35.9043	32.8708	-0.127353	0.920694
XLOC_016364	RUFY3	chr4:71570653-71674336	1.73951	1.59255	-0.127341	0.937813
XLOC_009532	SREBF1	chr17:17584786-17740325	24.2876	22.238	-0.127191	0.925955
XLOC_010049	MYADM2	chr17:79897520-79905109	0.0895243	0.0819708	-0.127169	1
XLOC_001912	IQGAP3	chr1:156495196-15654239	9.54055	8.73568	-0.127152	0.907651
XLOC_000304	RLF	chr1:40627040-40706593	4.0114	3.67304	-0.12713	0.917325
XLOC_003225	RASSF7	chr11:560970-564025	38.8319	35.5575	-0.127086	0.910769
XLOC_003110	LDB1	chr10:103867324-1038802	19.244	17.6221	-0.127019	0.911837
XLOC_003838	RNF214	chr11:117103403-1171869	3.35588	3.07308	-0.127006	0.965573
XLOC_023105	C9orf114	chr9:131580778-13159210	34.2686	31.3817	-0.126962	0.917325
XLOC_008780	MINK1	chr17:4736634-4806369	19.2584	17.6365	-0.126921	0.912776

XLOC_017965	RNF4A	chr5:175953699-17596442	9.83324	9.00513	-0.12692	0.913825
XLOC_023269	RAB9A	chrX:13707239-13727944	8.13349	7.44882	-0.126862	0.931471
XLOC_020692	DUS4L	chr7:106809405-107218968	5.34037	4.89101	-0.126808	0.982907
XLOC_010949	QPCTL	chr19:46195740-46207248	18.3493	16.8064	-0.126715	0.912776
XLOC_015849	ZBTB11	chr3:101368282-101398057	1.84456	1.68947	-0.126708	0.950929
XLOC_023760	TRAPPC2	chrX:13730360-13752754	11.3775	10.421	-0.126685	0.914022
XLOC_009316	BIRC5	chr17:76210276-76221716	43.9258	40.2348	-0.126626	0.905942
XLOC_020938	DGKB	chr7:14184673-14881075	0.00188897	0.00173032	-0.126564	1
XLOC_004328	RNASEH2C	chr11:65479472-65488409	22.9484	21.0217	-0.126516	0.932655
XLOC_009673	TOP2A	chr17:38544772-38574202	10.9367	10.0189	-0.126457	0.907185
XLOC_011237	ZNF587	chr19:58361180-58376491	1.35295	1.2395	-0.126352	0.935062
XLOC_004917	SUOX	chr12:56391042-56399309	5.84875	5.35848	-0.126303	0.931355
XLOC_023902	ARHGEF9	chrX:62854847-63005426	2.11373	1.93656	-0.126294	0.935078
XLOC_011934	NLRP12	chr19:54296854-54327648	0.00652142	0.00597506	-0.126232	1
XLOC_013087	ST6GAL2	chr2:107418055-107503568	0.00218206	0.00199927	-0.126221	1
XLOC_012107	ZNF512	chr2:27805835-27846082	4.41796	4.04835	-0.126048	0.926446
XLOC_008993	SLFN5	chr17:33570085-33594761	1.10438	1.01212	-0.125861	0.952385
XLOC_000574	CSF1	chr1:110453232-110473618	3.16484	2.9005	-0.125832	0.943514
XLOC_000165	ZBTB40	chr1:22778343-22857650	2.40056	2.20008	-0.125809	0.919029
XLOC_018319	VEGFA	chr6:43737945-43754223	24.7694	22.7009	-0.125806	0.912308
XLOC_015846	ABI3BP	chr3:100468178-100712334	0.026276	0.0240819	-0.125798	1
XLOC_008190	NFATC3	chr16:68119268-68270136	4.194	3.8439	-0.125756	0.955406
XLOC_022463	LOC441454	chr9:99671356-99672737	0.278381	0.255147	-0.125729	1
XLOC_001466	FHL3	chr1:38462441-38471187	37.0497	33.9603	-0.125612	0.913236
XLOC_002540	LOC642361	chr10:81585657-81587358	1.26218	1.9489	-0.125607	0.967901
XLOC_009652	PIP4K2B	chr17:36921943-36956158	7.59315	6.96026	-0.125557	0.913223
XLOC_013647	SNHG11	chr20:37075296-37079564	14.1295	12.9519	-0.12554	0.932468
XLOC_004660	C12orf5	chr12:4430358-4469190	2.65196	2.431	-0.125508	0.919029
XLOC_005569	TMBIM4	chr12:66530716-66563807	31.1633	28.5669	-0.125503	0.907689
XLOC_012011	SLC27A5	chr19:59009699-59023432	19.9892	18.325	-0.125407	0.918898
XLOC_018615	SERPINF1	chr6:2832565-2842283	58.668	53.7914	-0.1252	0.909179
XLOC_021915	NKX3-1	chr8:23536205-23540450	3.48597	3.1964	-0.12511	0.943036
XLOC_002112	ARL8A	chr1:202102531-202113871	26.6029	24.3942	-0.125045	0.913628
XLOC_013464	HDLBP	chr2:242166681-242293441	30.4096	27.8855	-0.125013	0.957782
XLOC_020808	GSTK1	chr7:142960521-142966222	136.186	124.886	-0.124972	0.909694
XLOC_011449	ZNF443	chr19:12540519-12551926	1.50864	1.38356	-0.124863	0.954559
XLOC_004760	AEBP2	chr12:19592607-19675173	1.78398	1.63615	-0.124794	0.937968
XLOC_022547	RABGAP1	chr9:125703287-125867147	4.36776	4.00606	-0.12471	0.920316
XLOC_002136	PIK3C2B	chr1:204391757-204459474	1.56213	1.43277	-0.124704	0.935939
XLOC_004076	ZBED5	chr11:10874250-10879620	10.2213	9.37521	-0.124658	0.918342
XLOC_016377	MTHFD2L	chr4:75023828-75168814	0.854115	0.783434	-0.124619	0.960403
XLOC_014882	LOC100506714	chr22:45529638-45599662	1.48161	1.35904	-0.124583	0.966946
XLOC_013462	MTERFD2	chr2:241938254-242041747	9.1199	8.36542	-0.12458	0.93549
XLOC_000453	SRSF11	chr1:70671364-70717701	31.9922	29.3466	-0.124523	0.906464
XLOC_022819	ARHGEF39	chr9:35658286-35665278	7.12496	6.53598	-0.124448	0.946274
XLOC_020533	LOC541473	chr7:72440191-72443668	0.607045	0.556877	-0.124446	0.981044
XLOC_002289	ZNF124	chr1:247285276-247335318	2.13573	1.95929	-0.1244	0.95534
XLOC_008525	LOC730183	chr16:30709024-30709810	2.58229	2.36897	-0.124388	0.979701
XLOC_009787	PLCD3	chr17:43189007-43209891	19.1733	17.5898	-0.124353	0.91547
XLOC_008541	C16orf58	chr16:31494438-31519706	44.1953	40.5499	-0.124194	0.907651
XLOC_020846	LRRRC61	chr7:149944300-150035248	45.607	41.8526	-0.123936	0.956373
XLOC_004362	NUDT8	chr11:67395408-67397408	45.5145	41.768	-0.123927	0.928653
XLOC_010262	RBFA	chr18:77794345-77810652	5.51579	5.06183	-0.123906	0.914199
XLOC_008729	CBFA2T3	chr16:88941262-89043504	1.96982	1.80779	-0.123833	0.954148
XLOC_003257	KCNQ1	chr11:2466220-2870340	11.5147	10.5677	-0.123818	0.934345
XLOC_006882	ZFYVE1	chr14:73436158-73493920	7.54721	6.92651	-0.123814	0.92969
XLOC_020418	CHN2	chr7:29234120-29553944	0.545807	0.500921	-0.12381	0.966946
XLOC_006217	LIG4	chr13:108859791-10887071	0.946885	0.869042	-0.123762	0.953061
XLOC_021675	TMEM67	chr8:94767071-94831460	1.35081	1.23982	-0.123689	0.947008
XLOC_005682	SSH1	chr12:109176465-10925138	6.05453	5.55709	-0.123688	0.924804
XLOC_013061	COA5	chr2:99215785-99224981	10.0008	9.17939	-0.123643	0.924847
XLOC_023956	TAF9B	chrX:77385244-77395179	9.00803	8.2684	-0.123602	0.918983
XLOC_015696	NCKIPSD	chr3:48711277-48723334	23.9978	22.0275	-0.123596	0.912776
XLOC_004951	LOC100130776	chr12:58118075-58135944	75.4735	69.2791	-0.12355	0.909435
XLOC_016645	FAM86EP	chr4:3943668-3957148	0.71919	0.660189	-0.123494	0.966442
XLOC_016633	TMEM129	chr4:1717678-1723084	25.6721	23.5668	-0.123445	0.914275
XLOC_003799	CUL5	chr11:107879407-10797848	2.15149	1.97528	-0.123275	0.929635
XLOC_012953	FBXO48	chr2:68689504-68694390	0.156688	0.143858	-0.123251	1
XLOC_005118	TPCN1	chr12:113659259-11373638	5.51449	5.06311	-0.123204	0.923405
XLOC_022741	MLLT3	chr9:20344967-20622514	3.90962	3.58968	-0.123173	0.930066
XLOC_017326	CAMLG	chr5:134074169-134087858	53.9895	49.5728	-0.12313	0.912795
XLOC_021553	BAG4	chr8:38020838-38070819	4.06127	3.72917	-0.123076	0.965607
XLOC_005258	RBP5	chr12:7276279-7281466	0.197525	0.181402	-0.122848	1
XLOC_002154	EIF2D	chr1:206764973-206785904	29.4848	27.078	-0.122847	0.91212
XLOC_009038	GSDMA	chr17:38119225-38134019	0.00834724	0.00766592	-0.122841	1
XLOC_021511	LOC389641	chr8:23082733-23088439	5.09338	4.67783	-0.122785	0.946942
XLOC_006011	CHAMP1	chr13:115079964-11509288	5.04801	4.63673	-0.122606	0.926233
XLOC_011921	ZNF468	chr19:53341784-53360902	2.40756	2.21147	-0.122565	0.934181
XLOC_003163	RGS10	chr10:121259338-12130222	155.263	142.617	-0.122561	0.908114

XLOC_007374	ZSCAN2	chr15:85144248-85166947	6.74347	6.19444	-0.122518	0.960591
XLOC_012868	HEATR5B	chr2:37208152-37311485	1.93383	1.77664	-0.122316	0.933023
XLOC_019073	PTPRK	chr6:128289923-128841870	1.49423	1.37282	-0.122259	0.93616
XLOC_007954	NP1P	chr16:15031299-15045931	49.837	45.7899	-0.122188	0.913628
XLOC_011736	LOC100505715	chr19:44395955-44405955	0.17449	0.16032	-0.122188	1
XLOC_023697	SRPK3	chrX:153046455-15305118	0.0268745	0.0246931	-0.12213	1
XLOC_022281	UHRF2	chr9:6413150-6507051	6.06341	5.57131	-0.122112	0.920028
XLOC_012814	ATAD2B	chr2:23971533-24149936	0.369358	0.339385	-0.122098	0.958814
XLOC_020839	ZNF212	chr7:148936741-148952700	9.20071	8.4545	-0.122025	0.928285
XLOC_020365	ZNF853	chr7:6655526-6663921	0.0781143	0.0717795	-0.122015	1
XLOC_001492	FOXJ3	chr1:42642209-42801548	8.82365	8.10814	-0.122005	0.913628
XLOC_001921	ARHGFE11	chr1:156904631-15701516	2.87976	2.64625	-0.121999	0.92969
XLOC_007198	SQRDL	chr15:45923345-45983492	11.4146	10.489	-0.121996	0.92385
XLOC_017765	STARD4	chr5:110834021-11135300	1.80585	1.65944	-0.121981	0.956807
XLOC_012511	DYNC1I2	chr2:172543918-17260666	13.1339	12.0695	-0.121934	0.913628
XLOC_015456	ZNF639	chr3:179041550-17905332	9.92064	9.11728	-0.121829	0.918342
XLOC_015410	ARHGFE26	chr3:153742189-15397561	0.159777	0.146845	-0.12177	1
XLOC_009588	MYO18A, TIAF1	chr17:27400527-27507407	10.3542	9.51652	-0.121715	0.938194
XLOC_001773	LOC728989	chr1:146490894-14651459	0.0180714	0.0166098	-0.121673	1
XLOC_011082	ZNF480	chr19:52800425-52829174	1.48637	1.36616	-0.121661	0.938811
XLOC_008685	TMEM231	chr16:75572014-75590184	10.8437	9.96677	-0.121657	0.922006
XLOC_011533	JUND	chr19:18390562-18392432	138.79	127.576	-0.121542	0.916337
XLOC_000042	TPRG1L	chr1:3541555-3546694	17.7141	16.2833	-0.121503	0.919186
XLOC_013731	FAM209B	chr20:55108301-55111574	0.876155	0.805434	-0.121419	0.979875
XLOC_023622	FAM122C	chrX:133903595-13398864	0.475664	0.437286	-0.121366	0.991767
XLOC_021808	ZNF7	chr8:146052902-14606860	16.8433	15.4848	-0.121321	0.919029
XLOC_013235	OLA1	chr2:174937174-17511336	47.4545	43.6275	-0.121306	0.913628
XLOC_014841	MKL1	chr22:40766594-41032690	4.8162	4.42786	-0.121286	0.969075
XLOC_011403	ZNF561	chr19:9718001-9731916	4.62034	4.248	-0.121216	0.92599
XLOC_000263	KIAA1522	chr1:33207511-33240571	13.7456	12.6386	-0.121137	0.925367
XLOC_000261	ZBTB8A	chr1:33004771-33071542	1.72223	1.58354	-0.121125	0.930777
XLOC_006415	EXD2	chr14:69658193-69710737	4.66744	4.2917	-0.121082	0.928755
XLOC_011480	PRKACA	chr19:14202506-14228559	19.9546	18.3485	-0.121055	0.917861
XLOC_010289	MPPE1	chr18:11689013-11908796	9.25655	8.51158	-0.121049	0.978196
XLOC_018697	ZNF204P	chr6:27325601-27343153	1.81743	1.67128	-0.120944	0.950929
XLOC_009423	SPAG7	chr17:4862520-4871132	39.3062	36.1481	-0.120836	0.920505
XLOC_010009	LGALS3BP	chr17:76967334-76976061	41.6907	38.3434	-0.12075	0.916105
XLOC_002253	TOMM20	chr1:235272657-23529225	61.9867	57.011	-0.120717	0.913628
XLOC_009946	CDC42EP4	chr17:71279762-71308143	9.231	8.49081	-0.120585	0.929478
XLOC_005147	P2RX4	chr12:121647663-1216719	13.4548	12.3778	-0.120371	0.929635
XLOC_013377	TUBA4A	chr2:220110191-22013691	89.4505	82.2926	-0.120327	0.935939
XLOC_021270	C7orf60	chr7:112459201-11257993	3.58592	3.29903	-0.120302	0.935062
XLOC_008384	ZSCAN32	chr16:3432084-3451025	4.4753	4.11747	-0.120226	0.935933
XLOC_014681	C22orf29, GNB1L	chr22:19775933-19842462	14.5026	13.3437	-0.120152	0.971854
XLOC_012149	LOC728730	chr2:39664556-39828484	0.440846	0.405618	-0.120151	0.972111
XLOC_010582	QTRT1	chr19:10812111-10824043	52.2869	48.1104	-0.120103	0.918898
XLOC_009427	ZNF232	chr17:5009030-5026397	10.1146	9.30667	-0.120101	0.928653
XLOC_008128	MT1IP	chr16:56709648-56711653	0.0107192	0.00986366	-0.120003	1
XLOC_013615	ITCH	chr20:32951040-33099198	4.33691	3.9909	-0.119956	0.920028
XLOC_007629	PIF1	chr15:65107832-65117838	6.32686	5.82218	-0.11993	0.937765
XLOC_003238	AP2A2	chr11:925808-1012245	12.6744	11.664	-0.119852	0.917325
XLOC_005866	NAA16	chr13:41885340-41951166	2.70183	2.48644	-0.119851	0.937757
XLOC_008160	CMTM2	chr16:66613350-66622177	0.148849	0.136987	-0.119807	1
XLOC_016906	PRSS12	chr4:119201192-11927392	1.68856	1.55409	-0.119727	0.947008
XLOC_023108	SH3GLB2	chr9:131770312-13179057	142.828	131.46	-0.119664	0.917687
XLOC_007243	RAB8B	chr15:63481727-63559973	5.23772	4.82093	-0.119663	0.922712
XLOC_020899	INTS1	chr7:1509912-1544018	18.4738	17.0052	-0.119504	0.913628
XLOC_013136	LIMS2	chr2:128395995-12843936	0.0298224	0.0274531	-0.119426	1
XLOC_013915	HM13-AS1	chr20:30102240-30161066	0.35481	0.326622	-0.119423	0.99351
XLOC_005086	UNG	chr12:109535398-1095487	30.2615	27.8575	-0.119419	0.916105
XLOC_016479	SNHG8	chr4:119199916-11920097	341.504	314.375	-0.119417	0.932231
XLOC_009003	ZNHIT3	chr17:34842472-34891305	81.1577	74.7113	-0.119401	0.948179
XLOC_002358	RPP38	chr10:15137383-15146256	27.6921	25.4946	-0.11928	0.925516
XLOC_020604	RBM48	chr7:92158086-92166823	7.1886	6.61913	-0.119068	0.937255
XLOC_013156	MZT2A	chr2:132202795-13236046	367.213	338.137	-0.11901	0.933023
XLOC_006365	FBXO34	chr14:55738020-55820329	4.75776	4.38135	-0.118908	0.931471
XLOC_014909	SCO2, TYMP	chr22:50946644-50968514	70.3946	64.8275	-0.118859	0.959465
XLOC_001627	MCOLN2	chr1:85391265-85462796	5.9066	5.43974	-0.118789	0.92969
XLOC_006087	FOXO1	chr13:41129800-41240734	1.16879	1.07644	-0.118755	0.950929
XLOC_006447	ISCA2	chr14:74960422-74962271	32.629	30.0535	-0.118624	0.923433
XLOC_007601	ZNF280D	chr15:56922373-57025787	3.25361	2.99679	-0.118622	0.950929
XLOC_016080	MCCC1	chr3:182733005-18281736	14.8339	13.6633	-0.1186	0.916456
XLOC_010419	PAR6D6	chr18:77905806-78005397	2.69656	2.48381	-0.118566	0.950104
XLOC_004266	INTS5	chr11:62414319-62420774	12.7347	11.7302	-0.118539	0.924371
XLOC_004208	TNKS1BP1	chr11:57067102-57092413	11.0654	10.1928	-0.118502	0.917627
XLOC_006912	VIPAS39	chr14:77893017-77923983	4.99428	4.60081	-0.118391	0.937765
XLOC_012427	PTPN18	chr2:131113579-13113298	15.6687	14.4343	-0.118385	0.917379
XLOC_009791	ARHGAP27	chr17:43506717-43510282	3.69024	3.39954	-0.118376	0.976149
XLOC_023184	NPDC1	chr9:139933908-13994067	256.466	236.264	-0.118366	0.918342

XLOC_017128	LOC257396	chr5:52405686-52410952	1.22802	1.1313	-0.118354	0.963457
XLOC_022243	VPS28	chr8:145648999-145653927	316.956	292	-0.118313	0.917639
XLOC_007545	PPIP5K1	chr15:43663312-43910998	4.42718	4.07871	-0.118275	0.976595
XLOC_018221	CYP21A2	chr6:32006092-32077151	0.0368979	0.033995	-0.118218	1
XLOC_009311	TNRC26C	chr17:76000317-76107880	0.504083	0.464436	-0.118182	0.966946
XLOC_013013	CAPG	chr2:85621870-85641197	137.781	126.952	-0.118099	0.915538
XLOC_012809	PUM2	chr2:20448452-20527144	12.2176	11.2576	-0.118058	0.916838
XLOC_010111	SOGA2	chr18:8717368-8832775	3.61396	3.33027	-0.117941	0.931471
XLOC_023202	WDR85	chr9:140449360-140473387	35.5361	32.748	-0.117879	0.916838
XLOC_012994	PCGF1	chr2:74724643-74734821	18.6541	17.1906	-0.11787	0.966921
XLOC_010533	ZNF358	chr19:7581003-7585911	55.6686	51.3063	-0.117726	0.918898
XLOC_010224	KIAA1468	chr18:59854523-59974355	2.12223	1.95612	-0.117589	0.935836
XLOC_002344	DHTKD1	chr10:12110933-12165224	3.60167	3.3199	-0.117529	0.932297
XLOC_017658	DHX29	chr5:54552072-54603521	3.2879	3.0307	-0.117516	0.931822
XLOC_007690	ULK3	chr15:75128458-75135552	24.8274	22.8854	-0.117506	0.919921
XLOC_016597	SLC25A4	chr4:186064416-18607153	16.6296	15.329	-0.117491	0.917379
XLOC_021865	CTS5	chr8:11700033-11725646	52.0966	48.0239	-0.117437	0.918898
XLOC_007784	VPS33B	chr15:91541773-91565833	8.04166	7.41313	-0.11741	0.931822
XLOC_012057	TRIB2	chr2:12856997-12882858	1.08974	1.00465	-0.11729	0.962618
XLOC_004827	TROAP	chr12:49716970-49725514	47.1796	43.4982	-0.117208	0.952905
XLOC_020463	UBE2D4	chr7:43966034-44058748	3.55935	3.2817	-0.117168	0.949303
XLOC_024104	ZNF75D	chrX:134419722-13442996	1.32541	1.22205	-0.117132	0.958201
XLOC_017747	ELL2	chr5:95220801-95297775	4.19513	3.868	-0.117127	0.92969
XLOC_012010	ZNF132	chr19:58944180-58951589	0.191826	0.176871	-0.117105	1
XLOC_023835	XUT	chrX:47511190-47519776	135.162	124.63	-0.11704	0.920028
XLOC_000230	MED18	chr1:28655512-28662478	12.2415	11.2889	-0.116872	0.930414
XLOC_007398	SEMA4B	chr15:90728151-90772892	15.4351	14.2345	-0.116825	0.929631
XLOC_015638	GORASP1	chr3:39138090-39149130	7.32439	6.75473	-0.116812	0.931471
XLOC_003075	MMS19	chr10:99218080-99258366	24.0837	22.2107	-0.116798	0.918619
XLOC_002592	BTAF1	chr10:93683735-93790080	3.3719	3.10969	-0.116795	0.925191
XLOC_010697	PGPEP1	chr19:18451407-18480763	7.41246	6.83605	-0.116789	0.920028
XLOC_001797	OTUD7B	chr1:149912231-14998268	2.44318	2.25328	-0.116731	0.935939
XLOC_016180	FAM193A	chr4:2627158-2734302	4.16153	3.83842	-0.116603	0.934345
XLOC_022968	XPA	chr9:100437190-10045969	8.41128	7.75851	-0.116545	0.941348
XLOC_008743	FAM57A	chr17:635846-646075	27.7876	25.6336	-0.116407	0.922312
XLOC_011741	ZNF285	chr19:44889807-44905777	0.0139408	0.0128605	-0.116374	1
XLOC_010671	USE1	chr19:17326154-17330638	39.0371	36.013	-0.11633	0.930066
XLOC_012597	ALS2CR8	chr2:203776977-20385106	0.108833	0.100409	-0.116229	1
XLOC_006965	ATG2B	chr14:96747594-96829678	1.12545	1.03833	-0.116228	0.938811
XLOC_001339	USP48	chr1:22004791-22109688	8.19701	7.56254	-0.116227	0.930066
XLOC_015117	C3orf45	chr3:50316517-50330026	0.013423	0.0123846	-0.116158	1
XLOC_019050	TSPYL4	chr6:116571130-11657526	2.92377	2.69774	-0.116078	0.944284
XLOC_003222	PKP3	chr11:394216-404908	45.0673	41.5838	-0.116057	0.920028
XLOC_011437	ELAVL3	chr19:11562142-11591803	0.00452263	0.00417313	-0.116032	1
XLOC_022520	ORM1	chr9:117085302-11708875	0.0232441	0.021449	-0.115958	1
XLOC_011894	ZTF5	chr19:51848408-51869672	94.4926	87.2026	-0.115829	0.918898
XLOC_011558	ENF506	chr19:19903519-19932560	2.20523	2.03519	-0.115768	0.945946
XLOC_007547	CATSPER2	chr15:43922771-43941039	0.645783	0.596025	-0.115675	0.976618
XLOC_013017	C2orf68	chr2:85829964-85876407	4.17713	3.85532	-0.115661	0.979701
XLOC_007869	TSC2	chr16:2097989-2185899	10.246	9.45704	-0.115604	0.955406
XLOC_023771	AP1S2	chrX:15843928-15873137	14.2996	13.199	-0.115549	0.923433
XLOC_016689	LCORL	chr4:17812435-18023483	3.22355	2.97589	-0.115328	0.977103
XLOC_006053	MTUS2-AS1	chr13:29598747-30080084	0.0471958	0.0435715	-0.115271	1
XLOC_004040	MRPL17	chr11:6701615-6704632	49.066	45.2991	-0.115242	0.919029
XLOC_007289	BBS4	chr15:72978519-73030817	5.75044	5.30906	-0.115216	0.93632
XLOC_000441	LEPR_LEPROT	chr1:65886130-66103176	8.23198	7.60042	-0.115161	0.978555
XLOC_022443	PHF2	chr9:96338908-96441869	4.74138	4.37787	-0.115078	0.931471
XLOC_014356	CSTB	chr21:45193545-45196256	269.557	248.895	-0.115055	0.919029
XLOC_001021	CD46	chr1:207925382-20796886	8.79789	8.12394	-0.114979	0.926225
XLOC_009549	MFAP4	chr17:19240866-19290532	0.0450438	0.0415933	-0.114977	1
XLOC_009373	ZNF385C	chr17:40118758-40190044	0.00756961	0.00699004	-0.114918	1
XLOC_021576	HOOK3	chr8:42752032-42885682	1.06195	0.98069	-0.114841	0.935939
XLOC_009135	NPEPPS	chr17:45608443-45700642	15.5861	14.3945	-0.114741	0.922312
XLOC_000570	GSTM4	chr1:110198697-11020812	16.1611	14.926	-0.114698	0.932202
XLOC_005434	TUBA1A	chr12:49578577-49583107	43.8766	40.5251	-0.114636	0.921047
XLOC_020543	CLDN4	chr7:73245192-73247015	0.199133	0.183929	-0.114577	1
XLOC_005773	RILPL1	chr12:123955908-1240182	9.92217	9.16494	-0.114531	0.931473
XLOC_004034	TRIM3	chr11:6469842-6495689	3.96634	3.66368	-0.114515	0.951559
XLOC_021557	PLEKHA2	chr8:38758752-38831430	10.9885	10.1501	-0.114503	0.926293
XLOC_004274	STX5	chr11:62574331-62599563	31.486	29.0856	-0.114408	0.9212
XLOC_017592	CDH12	chr5:21750972-22853731	0.0436777	0.0403488	-0.11437	1
XLOC_009160	PDK2	chr17:48172100-48207246	19.5891	18.0963	-0.114356	0.933023
XLOC_003977	SLC22A18AS	chr11:2909326-2946476	0.419755	0.387771	-0.114345	0.99351
XLOC_014539	MPST	chr22:37406899-37425863	160.401	148.181	-0.114321	0.950929
XLOC_004509	CWF19L2	chr11:107197071-1073285	1.68933	1.56067	-0.11429	0.950929
XLOC_021653	LRRC1	chr8:86019322-86058314	1.77185	1.63698	-0.114219	0.950929
XLOC_009309	SEPT9	chr17:75277491-75496678	42.3741	39.1509	-0.114136	0.921486
XLOC_015231	PCNP	chr3:101293041-10131328	43.9868	40.6439	-0.114032	0.922312
XLOC_018215	SKIV2L	chr6:31919863-31937532	7.88346	7.28448	-0.114002	0.979701

XLOC_009127	LRRC37A2	chr17:44590075-44657088	0.215729	0.199357	-0.113868	1
XLOC_018178	DDR1	chr6:30851860-30867933	10.3035	9.52181	-0.113827	0.931471
XLOC_001307	MFAP2	chr1:17300998-17308081	0.410822	0.379672	-0.113759	0.979701
XLOC_008785	KIF1C	chr17:4901242-4931694	21.0789	19.4808	-0.113753	0.924371
XLOC_004659	CCND2	chr12:4382901-4414522	22.3357	20.6431	-0.113691	0.919757
XLOC_008188	PSKH1	chr16:67927174-67965778	7.22884	6.68181	-0.113526	0.939753
XLOC_023972	TSPAN6	chrX:99883794-99891794	17.7448	16.4023	-0.113504	0.927644
XLOC_018285	NFYA	chr6:41040706-41108573	3.86976	3.577	-0.113492	0.931471
XLOC_013631	EPB41L1	chr20:34679425-34820721	5.12014	4.73322	-0.113364	0.931349
XLOC_009559	C17orf103	chr17:21142183-21156578	4.45921	4.12253	-0.113259	0.939091
XLOC_015042	TRAK1	chr3:42132745-42267382	4.09245	3.78351	-0.113241	0.936256
XLOC_022814	FAM214B	chr9:35104117-35115893	4.1853	3.86945	-0.1132	0.949987
XLOC_005229	PARP11	chr12:3918026-3982608	1.14921	1.0625	-0.113188	0.955758
XLOC_007614	VPS13C	chr15:62144589-62352664	1.02335	0.946196	-0.113083	0.937255
XLOC_016965	TIGD4	chr4:153690505-153700916	0.153579	0.142006	-0.113038	1
XLOC_022390	SMC5	chr9:72873877-72969789	3.20884	2.96704	-0.11303	0.932468
XLOC_014643	SELO	chr22:50639407-50656045	24.6645	22.8062	-0.113012	0.931473
XLOC_022882	FAM108B1	chr9:74477367-74526148	4.42049	4.08745	-0.113005	0.945037
XLOC_004256	RAB31L1	chr11:61664767-61687741	6.2409	5.77073	-0.113001	0.947951
XLOC_003565	TTC9C	chr11:62495951-62506108	23.4727	21.7058	-0.112901	0.931816
XLOC_003328	SBF2-AS1	chr11:9776316-10315754	2.39658	2.21633	-0.112804	0.978703
XLOC_002962	HERC4	chr10:69681655-69835103	5.7926	5.35753	-0.112644	0.930157
XLOC_000641	PEX11B	chr1:145516164-145523732	12.4136	11.4815	-0.112606	0.935939
XLOC_001651	TGFBR3	chr1:92145899-92371559	0.39311	0.363595	-0.1126	0.965917
XLOC_000391	OSBPL9	chr1:52082545-52344609	15.681	14.5043	-0.112539	0.967114
XLOC_007152	ZFYVE19	chr15:41060066-41106767	23.1638	21.4266	-0.112472	0.952469
XLOC_008633	PSMB10	chr16:67968406-67970780	49.8999	46.1576	-0.112469	0.934181
XLOC_018624	SLC22A23	chr6:3269206-3456793	1.7124	1.58398	-0.112466	0.952216
XLOC_016092	C3orf70	chr3:184795837-184870802	0.00256477	0.00237247	-0.11244	1
XLOC_017210	PAPD4	chr5:78908242-78982471	5.85411	5.41556	-0.112339	0.933559
XLOC_001308	ATP13A2	chr1:17312452-17338423	20.5662	19.0255	-0.112338	0.924371
XLOC_003796	ELMOD1	chr11:107461816-10753750	0.00529096	0.00489492	-0.112247	1
XLOC_012048	C2orf48	chr2:10281980-10350942	2.07569	1.92048	-0.112128	0.977332
XLOC_007932	ABAT	chr16:8768443-8878432	1.54122	1.42604	-0.112055	0.954768
XLOC_000966	NAV1	chr1:201617449-201796102	1.38881	1.28503	-0.112042	0.940009
XLOC_024077	RAP2C	chrX:131337051-131353501	6.32548	5.85293	-0.112016	0.935062
XLOC_000208	RPS6KA1	chr1:26856248-26901520	23.1439	21.4152	-0.111993	0.925955
XLOC_015101	KLHDC8B	chr3:49209017-49213919	8.93791	8.27076	-0.111917	0.942472
XLOC_012143	RMDN2	chr2:38152461-38294285	0.280411	0.259483	-0.111905	1
XLOC_010359	DYM	chr18:46570171-46987079	9.61002	8.89324	-0.11183	0.931471
XLOC_011495	ILVBL	chr19:15218213-15236577	40.9618	37.9093	-0.111729	0.926258
XLOC_021484	PCM1	chr8:17780365-17887457	5.14416	4.76114	-0.111628	0.926446
XLOC_023744	LOC389906	chrX:3735575-3761935	20.9588	19.3986	-0.111603	0.935062
XLOC_005732	CIT	chr12:120123594-12031505	4.2494	3.93312	-0.111584	0.939371
XLOC_022595	TBC1D13	chr9:131549509-131572711	20.7904	19.2433	-0.111556	0.923894
XLOC_010818	ZNF345	chr19:37288451-37407193	0.565848	0.523783	-0.111444	0.987693
XLOC_002664	FBXL15	chr10:104162373-10418285	12.2229	11.3201	-0.111428	0.946274
XLOC_008615	B3GNT9	chr16:67143914-67184902	7.82845	7.24718	-0.111308	0.966946
XLOC_009774	UBTF	chr17:42282400-42298994	18.117	16.7718	-0.111304	0.926258
XLOC_010721	ZNF90	chr19:20188802-20231977	0.00324847	0.00300747	-0.111212	1
XLOC_003762	KIAA1731	chr11:93394815-93463522	0.780007	0.722173	-0.111144	0.956033
XLOC_004863	TENC1	chr12:53436972-53473204	0.762235	0.705727	-0.111125	0.99351
XLOC_0107739	FLJ42709	chr5:92745064-92917003	0.530496	0.4912	-0.111033	0.980098
XLOC_012140	LOC100505876	chr2:37423634-37458740	10.8316	10.03	-0.110918	0.959465
XLOC_005587	MRS2P2	chr12:72233486-72320629	0.0103665	0.00959948	-0.110899	1
XLOC_014258	N6AMT1	chr21:30244512-30257695	3.00183	2.77979	-0.110864	0.966045
XLOC_016540	TRIM2	chr4:154074269-154260474	2.04037	1.88954	-0.110797	0.943036
XLOC_014086	UCKL1	chr20:62571181-62601223	31.8847	29.5282	-0.110772	0.930066
XLOC_011205	ZNF583	chr19:56915382-56936400	0.908876	0.841763	-0.110669	0.966946
XLOC_017902	TNIP1	chr5:150409503-150467221	70.9963	65.7546	-0.110652	0.926446
XLOC_024156	CXorf40B	chrX:149100414-149106711	15.9759	14.7979	-0.110505	0.942747
XLOC_016467	EGF	chr4:110834039-110934118	0.00257004	0.00238061	-0.110455	1
XLOC_001039	NENF	chr1:212606228-212619721	146.572	135.78	-0.110347	0.926225
XLOC_005749	CAMKK2	chr12:121675494-12173611	9.99894	9.2628	-0.110326	0.929478
XLOC_007888	FLJ42627	chr16:2688982-2696130	2.15729	1.99868	-0.110169	0.947008
XLOC_002069	SMG7-AS1	chr1:183430010-183441117	0.0456365	0.0422839	-0.11008	1
XLOC_007837	FAM173A	chr16:771141-776473	75.945	70.3685	-0.110025	0.949783
XLOC_005702	FAM109A	chr12:111798454-11180692	8.36055	7.74681	-0.109959	0.946956
XLOC_007710	PEAK1	chr15:77400497-77712446	1.24911	1.15745	-0.109958	0.938551
XLOC_016150	MF12	chr3:196728611-196756687	36.0963	33.4475	-0.109955	0.930066
XLOC_023197	NRARP	chr9:140194082-140196703	43.9668	40.7404	-0.109953	0.92856
XLOC_007157	CHP1	chr15:41523436-41574083	45.1917	41.8765	-0.109916	0.928653
XLOC_002571	PTEN	chr10:89623194-89728532	8.47322	7.8521	-0.10983	0.930488
XLOC_010638	PKN1	chr19:14544165-14582679	112.303	104.084	-0.10965	0.927422
XLOC_008882	USP32P1	chr17:16690205-16707819	0.178369	0.165324	-0.109571	1
XLOC_007232	RNF111	chr15:59279864-59389618	2.33204	2.16152	-0.109547	0.942827
XLOC_023090	PIP5K1L	chr9:130683807-130693076	14.885	13.7974	-0.109455	0.953101
XLOC_007620	HERC1	chr15:63900816-64126147	0.661291	0.612994	-0.109411	0.950929
XLOC_017241	RHOBTB3	chr5:95066849-95132071	6.82507	6.32666	-0.1094	0.930066

XLOC_021295	POT1	chr7:124462439-12457003	3.38218	3.13531	-0.109346	0.943097
XLOC_022532	GSN	chr9:124030379-12409512	32.8109	30.4162	-0.109334	0.928755
XLOC_000070	TMEM201	chr1:9648931-9674935	9.43402	8.74607	-0.109239	0.935917
XLOC_013097	NPHP1	chr2:110880913-11096263	1.08189	1.003	-0.109235	0.966946
XLOC_022053	HEY1	chr8:80676244-80680098	2.75768	2.55661	-0.109221	0.958902
XLOC_013771	SLC17A9	chr20:61583998-61599949	21.84	20.2478	-0.10921	0.934998
XLOC_015782	IL17RD	chr3:57124009-57199403	1.24466	1.15408	-0.109008	0.949156
XLOC_017192	NSA2	chr5:73980968-74072737	159.1	147.526	-0.108969	0.959465
XLOC_013770	GID8	chr20:61569440-61579827	15.6377	14.5005	-0.108927	0.926233
XLOC_020981	HOXA10,HOXA9	chr7:27202056-27219880	29.1955	27.0727	-0.108904	0.93165
XLOC_018410	ANKRD6	chr6:90142896-90348474	0.0455011	0.0421956	-0.10881	1
XLOC_009390	MNT	chr17:2287353-2304258	6.00983	5.57329	-0.108794	0.936493
XLOC_007475	MTMR10	chr15:31196054-31283807	2.16122	2.00423	-0.108794	0.967901
XLOC_004916	RABS5	chr12:56367696-56390467	10.9185	10.1255	-0.108772	0.930066
XLOC_019185	RPS6KA2	chr6:166822853-16727577	0.322609	0.299186	-0.108747	1
XLOC_022350	ZCCHC7	chr9:37120468-37358145	9.49286	8.80397	-0.108689	0.934394
XLOC_006009	CDC16	chr13:115000361-1150381	26.9301	24.976	-0.108679	0.928354
XLOC_006647	ZFYVE21	chr14:104182080-1042000	27.6016	25.5988	-0.108678	0.933023
XLOC_015267	QTRTD1	chr3:113775581-11380726	5.68928	5.27668	-0.108617	0.937235
XLOC_023193	TMEM203	chr9:140098534-14010009	67.3783	62.4949	-0.108545	0.927966
XLOC_010898	LOC100996307	chr19:42901299-43156507	0.232358	0.215519	-0.108533	1
XLOC_015115	GNAI2	chr3:50273646-50296786	64.435	59.7692	-0.108443	0.92856
XLOC_008938	SPAG5-AS1	chr17:26926150-26972177	0.498726	0.462628	-0.108394	0.996015
XLOC_012882	MAP4K3	chr2:39476406-39664453	2.98476	2.76886	-0.108321	0.944724
XLOC_004674	NCAPD2	chr12:6603297-6641132	32.9486	30.5659	-0.108295	0.927914
XLOC_003708	PAAF1	chr11:73583712-73638781	15.0016	13.917	-0.108272	0.978981
XLOC_013237	GPR155	chr2:175296299-17535181	0.313438	0.290778	-0.108264	1
XLOC_017230	TMEM161B-AS1	chr5:87564698-87732491	1.91149	1.77332	-0.108244	0.978196
XLOC_013044	ASTL	chr2:96789588-96804175	0.0401467	0.0372461	-0.108192	1
XLOC_003325	ZNF143	chr11:9482511-9550071	4.44197	4.12119	-0.108139	0.947008
XLOC_003013	DLG5	chr10:79550548-79686348	4.83624	4.48736	-0.10802	0.932231
XLOC_020826	CTAGE4	chr7:143880547-14388317	0.284056	0.263564	-0.108019	1
XLOC_017975	F12	chr5:176829138-17683657	34.264	31.7928	-0.107991	0.932468
XLOC_003690	FAM86C1	chr11:71498556-71524905	2.92182	2.71123	-0.107921	0.961224
XLOC_010261	HSBP1L1	chr18:77724581-77730822	82.5633	76.6145	-0.107882	0.930447
XLOC_004136	CD59	chr11:33724555-33758025	17.0706	15.8422	-0.107743	0.931471
XLOC_006362	SOCS4	chr14:55493843-55516206	2.49395	2.31461	-0.107664	0.94356
XLOC_011868	FAM71E1	chr19:50970044-50986608	4.47712	4.15517	-0.107663	0.991956
XLOC_007719	CHRNA3	chr15:78857861-78913637	0.177681	0.164907	-0.107638	1
XLOC_006359	CDKN3	chr14:54863672-54886934	39.7527	36.8957	-0.107602	0.933625
XLOC_000970	SHISA4	chr1:201857796-20186171	11.6297	10.7941	-0.107565	0.950929
XLOC_009593	SSH2	chr17:27952964-28435470	0.857655	0.796054	-0.107529	0.953922
XLOC_011624	ZNF260	chr19:37001588-37019248	2.27641	2.11308	-0.107412	0.947008
XLOC_009044	CASC3	chr17:38296506-38328431	25.9424	24.0819	-0.107363	0.929635
XLOC_008051	ZNF771	chr16:30418734-30429916	12.6736	11.7649	-0.10733	0.962247
XLOC_023884	PHF8	chrX:53963112-54071569	7.54507	7.00438	-0.107276	0.935522
XLOC_007630	SPG21	chr15:65255362-65282251	80.9977	75.1953	-0.107239	0.930157
XLOC_017815	PITX1	chr5:134363423-13436996	31.9308	29.6446	-0.107178	0.939072
XLOC_022627	GTF3C4	chr9:135469675-13556547	5.94638	5.52067	-0.107169	0.977738
XLOC_021654	E2F5	chr8:86089618-86132643	8.63177	8.01414	-0.107108	0.990324
XLOC_017783	CEP120	chr5:122680578-12275928	3.29416	3.05865	-0.107017	0.940056
XLOC_013977	C20orf111	chr20:42824580-42839546	28.7277	26.6742	-0.106999	0.92969
XLOC_008966	RNF135	chr17:29297955-29326929	7.07793	6.57212	-0.10697	0.950929
XLOC_019058	CEP85L	chr6:118781934-11903123	0.495362	0.459974	-0.106932	0.977332
XLOC_015536	PAK2	chr3:196466727-19655951	11.451	10.6338	-0.106818	0.931471
XLOC_022245	CYHR1	chr8:145675314-14569103	70.6023	65.5639	-0.106815	0.934181
XLOC_011019	LOC100507003	chr19:49929687-49932075	0.0118437	0.0109985	-0.106807	1
XLOC_013175	ORC4	chr2:148602569-14927104	4.69383	4.35915	-0.106719	0.939261
XLOC_012846	IFT172	chr2:27665232-27712571	1.95432	1.81501	-0.106688	0.953061
XLOC_007266	MAP2K5	chr15:67835020-68099455	12.7116	11.8056	-0.106679	0.944724
XLOC_022103	C8orf37	chr8:96257140-96822371	0.659088	0.612138	-0.106615	0.972053
XLOC_009358	FN3K	chr17:80693451-80709073	35.5487	33.0172	-0.106583	0.938194
XLOC_022798	FAM219A	chr9:34398181-34458568	10.2029	9.4767	-0.106529	0.938305
XLOC_007774	PEX11A	chr15:90224761-90234015	2.92517	2.71705	-0.106478	0.955406
XLOC_007543	ZSCAN29	chr15:43650369-43662258	3.36894	3.12926	-0.106474	0.942747
XLOC_000268	ZSCAN20	chr1:33938231-33961995	0.383932	0.356621	-0.106462	0.974226
XLOC_005044	SLC25A3	chr12:98987402-98995778	464.472	431.452	-0.10639	0.935539
XLOC_016755	NOA1	chr4:57829515-57843826	39.9093	37.0737	-0.106328	0.932202
XLOC_015276	POGLUT1	chr3:119187784-11921355	3.20974	2.98173	-0.106307	0.950929
XLOC_003382	ELP4	chr11:31531296-31805329	10.4334	9.69227	-0.106303	0.948088
XLOC_000773	BGLAP,PMF1,PMF1-BGLAF	chr1:156182778-15621790	48.7806	45.3157	-0.106297	0.942827
XLOC_004096	SERGEF	chr11:17809596-18034637	21.157	19.6549	-0.106242	0.939261
XLOC_002624	UBTD1	chr10:99258767-99330960	35.9195	33.3697	-0.106227	0.93616
XLOC_012979	FBXO41	chr2:73481809-73496758	6.23291	5.79125	-0.106031	0.933641
XLOC_010600	ZNF441	chr19:11877814-11894893	0.446653	0.415009	-0.10601	0.969626
XLOC_016176	C4orf48	chr4:2043719-2045697	57.5401	53.4646	-0.105984	0.959465
XLOC_002532	RPS24	chr10:79793517-79816571	3608.55	3353.09	-0.105929	0.945247
XLOC_017864	FCHSD1	chr5:141016516-14103098	12.1275	11.2691	-0.105911	0.946765
XLOC_014473	SGSM1	chr22:25202135-25322813	0.821964	0.763873	-0.105742	0.963457

XLOC_011233	ZNF551	chr19:58193336-58201169	0.81663	0.758952	-0.105673	0.966946
XLOC_000673	C1orf51	chr1:150255228-150259501	0.716085	0.66553	-0.105627	0.979701
XLOC_017362	HARS2	chr5:140053489-140078890	9.82939	9.13619	-0.105509	0.979701
XLOC_020957	STEAP1B	chr7:22459062-22539901	0.0120364	0.0111888	-0.105352	1
XLOC_022660	KCNT1	chr9:138594030-138684993	0.0159641	0.0148405	-0.105287	1
XLOC_009543	ZNF286B	chr17:18561741-18585572	2.6328	2.44794	-0.105031	0.948088
XLOC_021889	MTMR7	chr8:17104400-17271040	0.9636	0.895956	-0.105007	0.979866
XLOC_021957	RAB11FIP1	chr8:37716464-37757015	4.46999	4.15627	-0.104981	0.937255
XLOC_011244	ZSCAN22	chr19:58838384-58853712	1.2188	1.13326	-0.104977	0.963457
XLOC_015139	NISCH	chr3:52489523-52527088	17.0657	15.8683	-0.104953	0.939025
XLOC_006316	ARHGAP5	chr14:32546494-32628934	2.5057	2.32992	-0.104934	0.938194
XLOC_020462	BLVRA	chr7:43798271-43846941	46.6112	43.3424	-0.104898	0.935939
XLOC_014260	RWDD2B	chr21:30378079-30391685	8.84046	8.22055	-0.104887	0.95006
XLOC_018745	FLOT1	chr6:30695510-30710453	110.277	102.546	-0.104859	0.935555
XLOC_001547	CC2D1B	chr1:52816264-52831877	4.82218	4.48415	-0.104851	0.942238
XLOC_011160	TSEN34	chr19:54694118-54698394	57.8763	53.8195	-0.104843	0.931471
XLOC_023855	SYP	chrX:49044264-49056661	0.309113	0.287469	-0.10473	1
XLOC_008527	ZNF629	chr16:30789769-30798523	6.43963	5.98881	-0.104707	0.935939
XLOC_002177	NSL1	chr1:212899494-212965138	0.928527	0.863614	-0.104558	0.948179
XLOC_011300	GNG7	chr19:2511217-2702746	1.4476	1.34642	-0.104532	0.966946
XLOC_000495	PKN2	chr1:89149921-89301938	4.05988	3.77616	-0.104516	0.938194
XLOC_005668	APPL2	chr12:105567074-10563000	4.35056	4.04654	-0.10451	0.950929
XLOC_022727	NFIB	chr9:14081841-14398982	2.84295	2.64453	-0.104376	0.941348
XLOC_003968	H19,MIR675	chr11:2016405-2019065	1.993	1.85395	-0.10434	0.977332
XLOC_013255	PDE11A	chr2:178487976-178973066	0.0853214	0.0793699	-0.104315	1
XLOC_017311	SLC22A5	chr5:131630144-131731306	2.96417	2.75746	-0.104286	0.958814
XLOC_001218	PEX10	chr1:2323213-2344010	21.0635	19.595	-0.104262	0.979733
XLOC_002799	ENHO	chr9:34521039-34523037	17.23	16.029	-0.104235	0.954413
XLOC_017158	SREK1	chr5:65440045-65479444	3.73599	3.47569	-0.10419	0.941348
XLOC_020408	HOTAIRM1	chr7:27135712-27139877	16.4049	14.9234	-0.10418	0.952905
XLOC_002366	TMEM236	chr10:18041226-18089854	0.0459675	0.0427695	-0.104031	1
XLOC_005228	EFCAB4B	chr12:3724493-3862366	1.31619	1.2248	-0.103824	0.96926
XLOC_010583	DNM2	chr19:10828728-10942586	42.0716	39.1507	-0.103808	0.934345
XLOC_023471	RPS26P11	chrX:71130937-71363424	1.30668	1.21597	-0.103803	0.984917
XLOC_022405	TLE4	chr9:82186877-82341656	0.592919	0.551798	-0.103694	0.97028
XLOC_015690	UCN2	chr3:48599150-48601201	0.0811208	0.0754992	-0.103611	1
XLOC_016428	TIGD2	chr4:90033967-90036052	3.24254	3.01806	-0.103504	0.958814
XLOC_012872	PRKD3	chr2:37477645-37544222	2.38331	2.21833	-0.103489	0.947716
XLOC_015904	PKNA1	chr3:122140747-122233786	5.79771	5.39702	-0.103321	0.933023
XLOC_010835	FAM98C	chr19:38893774-38916945	48.8307	45.4569	-0.103288	0.937952
XLOC_016952	OTUD4	chr4:146054801-146100833	3.8987	3.62946	-0.103237	0.945022
XLOC_007147	RPU5D2	chr15:40861536-40866661	17.4967	16.2911	-0.102995	0.946971
XLOC_023069	NR6A1	chr9:127284702-127533576	0.814697	0.758585	-0.102953	0.978196
XLOC_009360	METRNL	chr17:81037566-81052591	59.8177	55.6978	-0.10295	0.940056
XLOC_016155	KIAA0226	chr3:197398258-197511311	3.35818	3.1269	-0.102945	0.976618
XLOC_023354	ARAF	chrX:47420498-47479256	22.4738	20.9265	-0.10291	0.987693
XLOC_004171	SPI1	chr11:47376408-47400127	0.0458902	0.0427315	-0.102884	1
XLOC_005871	AKAP11	chr13:42846288-42897403	1.85776	1.7299	-0.102873	0.945946
XLOC_003220	IFITM1	chr11:313990-315272	1.2128	1.12937	-0.102833	0.983952
XLOC_011429	SPC24	chr19:11257830-11266484	9.76233	9.09108	-0.102774	0.967282
XLOC_016006	SIAH2	chr3:150458909-150481263	16.8878	15.7267	-0.10276	0.942519
XLOC_023251	VCX3B	chrX:8432870-8434551	0.0152585	0.0142097	-0.102738	1
XLOC_0021140	CACNA2D1	chr7:81579417-82073031	0.206915	0.1927	-0.102681	1
XLOC_009202	YPEL2	chr17:57409052-57479095	1.30619	1.21666	-0.102429	0.959465
XLOC_018170	HLA-E	chr6:30457182-30461982	149.84	139.573	-0.102404	0.935062
XLOC_005533	NACA	chr12:57106210-57119326	1181.73	1100.83	-0.102311	0.938811
XLOC_003664	AIP	chr11:67250504-67258579	64.8729	60.4328	-0.102284	0.938123
XLOC_017904	CCDC69	chr5:150560612-150603654	4.25242	3.96139	-0.102279	0.952905
XLOC_020743	IRF5	chr7:128577993-128590088	25.0743	23.3586	-0.102256	0.935836
XLOC_013016	TMEM150A	chr2:85825669-85829822	10.9654	10.2156	-0.102181	0.954559
XLOC_022617	AIF1L	chr9:133971862-133998533	43.4983	40.5246	-0.102161	0.937347
XLOC_017455	PTTG1	chr5:159848864-159855746	207.666	193.478	-0.102095	0.934426
XLOC_018980	SNX14	chr6:86215214-86303629	11.3696	10.5929	-0.102084	0.935062
XLOC_011282	TCF3	chr19:1609288-1652328	30.6104	28.5214	-0.101977	0.935939
XLOC_010000	TMC6	chr17:76108998-76139049	28.1253	26.2088	-0.101817	0.940122
XLOC_017139	MAP3K1	chr5:56110899-56191978	0.855399	0.797137	-0.101769	0.960403
XLOC_017647	LOC642366	chr5:50668570-50690563	0.0288026	0.0268419	-0.101713	1
XLOC_007423	NR2F2	chr15:96689156-96883492	3.04853	2.84113	-0.101648	0.954559
XLOC_019038	CDK19	chr6:110931180-111136411	1.74244	1.62403	-0.101533	0.953271
XLOC_005647	UHRF1BP1L	chr12:100430862-10053664	1.47539	1.37518	-0.101448	0.966946
XLOC_013650	RALGAPB	chr20:37101485-37207504	3.48891	3.25211	-0.1014	0.941345
XLOC_009662	FBXL20	chr17:37408896-37557909	2.45866	2.29195	-0.101294	0.943036
XLOC_005617	GALNT4,POC1B,POC1B-G	chr12:89813497-89920039	5.57961	5.20133	-0.101283	0.950929
XLOC_017188	BTF3	chr5:72794249-72801448	875.131	815.842	-0.101211	0.942747
XLOC_015389	GYG1	chr3:148709194-148745456	33.2822	31.0277	-0.101195	0.938305
XLOC_015785	DNAH12	chr3:57327726-57530071	0.0110494	0.010301	-0.101193	1
XLOC_001553	C1orf123	chr1:53662100-53686289	28.0849	26.1833	-0.101147	0.962571
XLOC_006412	RDH12	chr14:68168602-68201168	0.0319094	0.0297501	-0.101089	1
XLOC_021423	ESYT2	chr7:158523688-158622316	8.15574	7.60403	-0.101052	0.939088

XLOC_001629	SYDE2	chr1:85623355-85666728	1.48369	1.38339	-0.10098	0.959465
XLOC_009099	NAGS	chr17:42082031-42086436	6.03698	5.62945	-0.100835	0.960071
XLOC_004276	SNHG1	chr11:62619459-62623360	168.176	156.825	-0.100819	0.941014
XLOC_019129	SHPRH	chr6:145946439-146285233	0.66278	0.618057	-0.100791	0.985921
XLOC_020643	LAMTOR4	chr7:99746529-99751833	318.932	297.414	-0.100775	0.936256
XLOC_011537	ELL	chr19:18553472-18632937	11.982	11.1738	-0.100752	0.939371
XLOC_001562	TMEM59	chr1:54497348-54519111	75.7986	70.6861	-0.100745	0.937845
XLOC_014879	LDLOC1L	chr22:44888449-44894005	6.39445	5.96348	-0.100666	0.946765
XLOC_022821	TLN1	chr9:35697333-35749225	16.9831	15.8392	-0.100604	0.958902
XLOC_011187	ZNF628	chr19:55987698-55995854	5.04886	4.70904	-0.100523	0.961224
XLOC_002238	C1orf198	chr1:230972864-231005333	8.60956	8.03009	-0.100522	0.943036
XLOC_007400	TTL13	chr15:90792763-90802312	0.173642	0.161969	-0.100398	1
XLOC_003081	PYROXD2	chr10:100143321-10017497	0.0509682	0.0475442	-0.100328	1
XLOC_022801	RPP25L	chr9:34610481-34612110	77.8849	72.663	-0.100123	0.940503
XLOC_004215	UBE2L6	chr11:57319127-57335803	28.5432	26.6318	-0.100001	0.945783
XLOC_010538	STXBP2	chr19:7701986-7712760	63.4597	59.2106	-0.0999843	0.937757
XLOC_011310	TBXA2R	chr19:3594503-3606831	3.3862	3.15979	-0.0998386	0.966946
XLOC_014396	CECR2	chr22:17956627-18033845	0.0411697	0.0384177	-0.0998122	1
XLOC_015564	PRRT3	chr3:9987225-9996471	1.30258	1.21554	-0.099775	0.979701
XLOC_017558	SDHAF3	chr5:1572072-1594646	3.91993	3.65834	-0.0996418	0.970232
XLOC_004368	CHKA	chr11:67820325-67888858	24.8105	23.1558	-0.0995787	0.942519
XLOC_011699	ATP1A3	chr19:42470733-42498428	9.32545	8.70374	-0.0995372	0.950929
XLOC_010437	CFD	chr19:859664-863610	23.8203	22.2324	-0.0995303	0.958201
XLOC_015407	P2RY1	chr3:152552735-152555843	0.108101	0.100895	-0.0995245	1
XLOC_012093	EMILIN1	chr2:27301434-27309265	0.210556	0.196522	-0.0995106	1
XLOC_018487	TRMT11	chr6:126307575-126360420	7.2371	6.75489	-0.0994794	0.952905
XLOC_016096	IGFBP2	chr3:185361526-185542827	29.7373	27.7559	-0.0994759	0.940338
XLOC_001473	PABPC4	chr1:40026484-40042521	111.2	103.792	-0.0994661	0.942778
XLOC_003228	TMEM80	chr11:644224-705028	12.321	11.5003	-0.0994576	0.985921
XLOC_012930	USP34	chr2:61404554-61697849	2.92472	2.72994	-0.0994292	0.952344
XLOC_007697	SIN3A	chr15:75661719-75748124	4.88917	4.56375	-0.0993705	0.942747
XLOC_015558	SETD5-AS1	chr3:9430536-9439174	4.26612	3.98227	-0.0993322	0.959465
XLOC_007178	CKMT1B	chr15:43663312-43910998	12.8672	12.0113	-0.0993095	0.982156
XLOC_007634	PDCD7	chr15:65409716-65426174	15.7072	14.6627	-0.0992702	0.942472
XLOC_004590	ZNF202	chr11:123594996-12361236	3.68286	3.438	-0.0992583	0.954559
XLOC_015741	VPRBP	chr3:51428698-51534018	2.54779	2.37885	-0.0998942	0.984481
XLOC_016203	LOC93622	chr4:6675820-6677774	20.9355	19.548	-0.0989359	0.949958
XLOC_008365	CEMP1	chr16:2570362-2581409	10.3551	9.66934	-0.0988522	0.977332
XLOC_004801	ALG10B	chr12:38710556-38723528	0.519809	0.4854	-0.0988071	0.964431
XLOC_007831	FAM195A	chr16:691848-698474	111.526	104.148	-0.0987432	0.943036
XLOC_011215	ZNF264	chr19:57702867-57734214	1.1766	1.09877	-0.0987351	0.954188
XLOC_007786	FAM174B	chr15:93160678-93199031	8.47771	7.91806	-0.0985285	0.951559
XLOC_008736	CENPBD1	chr16:90036182-90067195	1.68574	1.57451	-0.0984838	0.982703
XLOC_001215	C1orf86	chr1:1981908-2144159	145.896	136.27	-0.0984767	0.965148
XLOC_015602	SATB1	chr3:18389132-18480265	3.46572	3.23717	-0.0984245	0.954559
XLOC_008437	FOPNL	chr16:15959576-15982447	13.5636	12.6692	-0.0984131	0.944616
XLOC_017233	ARRDC3-AS1	chr5:90664540-90716532	0.0889167	0.0830592	-0.0983159	1
XLOC_008715	FBXO31	chr16:87362941-87425708	14.0188	13.0957	-0.0982664	0.944284
XLOC_020423	C7orf41	chr7:30174551-30202381	3.05294	2.85195	-0.0982514	0.952697
XLOC_023700	TMEM187	chrX:153237990-153248644	6.82124	6.37226	-0.0982291	0.963786
XLOC_020398	CCDC126	chr7:23636997-23684327	1.23112	1.1501	-0.0982154	0.971965
XLOC_012098	CAD	chr2:27440257-27466654	12.1187	11.3213	-0.0981971	0.942747
XLOC_017845	MZB1	chr5:138723256-138725608	0.05078	0.047439	-0.0981879	1
XLOC_000187	SRRM1	chr1:24969593-24999772	18.5145	17.297	-0.0981337	0.941348
XLOC_010526	VAV1	chr19:6772678-6857377	0.208611	0.194902	-0.0980667	1
XLOC_024169	CETN2	chrX:151995870-15199930	27.0442	25.2673	-0.0980482	0.948179
XLOC_007109	APBA2	chr15:29213839-29410516	0.00556017	0.00519499	-0.0980067	1
XLOC_012088	CENPA	chr2:27008881-27017455	21.7652	20.3381	-0.0978375	0.950929
XLOC_015354	PPP2R3A	chr3:135684514-135866753	1.13376	1.05943	-0.0978171	0.965573
XLOC_008926	KSR1	chr17:25799035-25950718	0.162826	0.152156	-0.0977817	1
XLOC_013644	RPRD1B	chr20:36661947-36720766	6.17386	5.76935	-0.0977634	0.950408
XLOC_009751	EZH1	chr17:40852292-40897071	4.22751	3.95062	-0.0977287	0.950929
XLOC_007143	KNSTRN	chr15:40674921-40686489	21.5487	20.1379	-0.0976869	0.944631
XLOC_006102	NUFIP1	chr13:45513383-45563613	2.54549	2.37884	-0.0976857	0.956373
XLOC_018389	TTK	chr6:80714321-80752244	5.57722	5.21214	-0.0976703	0.950929
XLOC_016326	CEP135	chr4:56814973-56899529	1.56863	1.46596	-0.097667	0.957925
XLOC_009149	UBE2Z	chr17:46985730-47006422	45.0677	42.1187	-0.0976341	0.940091
XLOC_013155	LOC401010	chr2:132199733-132202467	0.00744063	0.00695386	-0.097611	1
XLOC_011283	ATP8B3	chr19:1782073-1812275	0.463119	0.432844	-0.0975353	0.976214
XLOC_012441	CCDC74A	chr2:132202795-132360468	10.4703	9.7863	-0.0974714	0.993379
XLOC_008821	POLR2A	chr17:7387697-7417935	11.1593	10.4313	-0.0973365	0.942519
XLOC_003327	SWAP70	chr11:9685627-9774507	6.22837	5.82243	-0.0972333	0.944601
XLOC_021801	ADCK5	chr8:145597730-145634733	19.114	17.8691	-0.0971628	0.984917
XLOC_011048	FLJ26850	chr19:50553936-50570052	1.57688	1.47421	-0.0971368	0.977332
XLOC_000282	AGO3	chr1:36396682-36522063	1.30175	1.21701	-0.097116	0.966946
XLOC_012719	DGKD	chr2:234263152-234380743	4.32555	4.04396	-0.0971151	0.950929
XLOC_010820	ZNF420	chr19:37569381-37620651	0.911761	0.852429	-0.0970762	0.972111
XLOC_020751	NRF1	chr7:129251554-129396922	3.77892	3.53329	-0.0969617	0.976198
XLOC_002527	VDAC2	chr10:76969911-76991207	183.896	171.962	-0.0967979	0.942519

XLOC_002457	NCOA4	chr10:51565107-51590734	54.1339	50.6214	-0.0967839	0.943036
XLOC_016208	TADA2B	chr4:6911170-7059677	5.62477	5.25982	-0.0967792	0.979701
XLOC_011388	ZNF414	chr19:8575461-8579048	13.8636	12.9649	-0.096697	0.965148
XLOC_021144	SEMA3D	chr7:84624871-84751247	4.49405	4.2028	-0.0966645	0.944284
XLOC_008681	CFDP1	chr16:75327607-75467387	27.7529	25.9545	-0.0966582	0.947247
XLOC_018315	POLR1C	chr6:43484776-43489246	55.0259	51.4604	-0.0966482	0.945783
XLOC_000750	ADAM15	chr1:155006281-155042025	100.633	94.1187	-0.0965451	0.954768
XLOC_012258	DOK1	chr2:74753774-74784678	22.6633	21.1966	-0.0965301	0.987702
XLOC_008065	SETD1A	chr16:30968614-30995981	7.83241	7.32573	-0.0964842	0.949798
XLOC_001893	ASH1L	chr1:155305051-155533735	1.04608	0.978455	-0.0964212	0.979733
XLOC_004614	PUS3	chr11:125753508-12577311	9.51425	8.89949	-0.0963675	0.965148
XLOC_006880	MAP3K9	chr14:71194853-71275888	0.530346	0.496079	-0.0963651	0.976617
XLOC_021418	MNX1	chr7:156797546-156803347	20.7564	19.4162	-0.0962965	0.956033
XLOC_001882	DPM3	chr1:155112366-155112996	138.062	129.148	-0.0962885	0.950929
XLOC_007159	NUSAP1	chr15:41624891-41673248	37.2423	34.8393	-0.0962271	0.944724
XLOC_011846	PTOV1-AS1	chr19:50341902-50363999	2.47786	2.31806	-0.0961786	0.992797
XLOC_008697	SLC38A8	chr16:84043388-84075762	0.0202044	0.0189032	-0.0960412	1
XLOC_021072	PHKG1	chr7:56131916-56160689	24.5688	22.9886	-0.0959073	0.979701
XLOC_002286	ZNF670,ZNF695	chr1:247108848-247242115	5.00979	4.68784	-0.0958286	0.979291
XLOC_018271	C6orf89	chr6:36853639-36896740	5.45594	5.10597	-0.095643	0.948088
XLOC_016894	TIFA	chr4:113196781-113207055	7.59691	7.11105	-0.0953507	0.950929
XLOC_001793	HIST2H2AB	chr1:149859018-149859466	0.27654	0.258865	-0.0952885	1
XLOC_011211	SMIM17	chr19:57154526-57168614	0.146866	0.137493	-0.0951357	1
XLOC_017255	MAN2A1	chr5:109025155-109203425	0.600631	0.562331	-0.095059	0.974392
XLOC_002863	ARMC4	chr10:28101096-28287977	0.00369345	0.00345794	-0.0950561	1
XLOC_011764	DMPK	chr19:46272975-46285815	13.1598	12.3207	-0.0950524	0.956033
XLOC_005142	MLEC	chr12:121124948-12113966	24.2081	22.6648	-0.0950339	0.945247
XLOC_007228	GCOM1,MYZAP,POLR2M	chr15:57884101-58009755	10.2852	9.63017	-0.0949425	0.948088
XLOC_010121	GNAL	chr18:11689013-11908796	3.32044	3.10897	-0.0949373	0.981773
XLOC_012653	WNT10A	chr2:219745254-21975865	1.11602	1.04498	-0.0948929	0.979701
XLOC_017583	ANKH	chr5:14704908-14871887	4.32311	4.04822	-0.0947827	0.949958
XLOC_001548	ORC1	chr1:52838500-52870143	4.0959	3.83546	-0.0947804	0.95835
XLOC_001250	ENO1	chr1:8921058-8939943	2449.4	2293.69	-0.094757	0.958814
XLOC_011726	ETH1	chr19:44010870-44031396	127.844	119.721	-0.0947064	0.945171
XLOC_013236	CIR1	chr2:175212877-175260443	12.2598	11.481	-0.0946876	0.950929
XLOC_021185	BAIAP2L1	chr7:97910978-98030427	26.5651	24.8781	-0.0946556	0.974044
XLOC_001871	C1orf43	chr1:154179182-154243325	144.816	135.626	-0.0945865	0.959465
XLOC_013538	DSTN	chr20:17550598-17588652	67.8796	63.5742	-0.0945374	0.946363
XLOC_012205	UGP2	chr2:64068097-64118696	15.0373	14.0852	-0.0943645	0.950929
XLOC_004926	MYL6	chr12:56552044-56555366	905.745	848.415	-0.0943349	0.948088
XLOC_014319	CLDN14	chr21:37832919-37948867	0.123147	0.115359	-0.0942573	1
XLOC_012063	GEN1	chr2:17935176-17966632	1.64004	1.53634	-0.0942365	0.958814
XLOC_014653	RPL23AP82	chr22:51195513-51238065	5.40197	5.06075	-0.0941354	0.979484
XLOC_015311	CHCHD6	chr3:126423062-126679263	72.9428	68.3405	-0.0940252	0.948179
XLOC_021895	CSGALNACT1	chr8:19261671-19540261	0.0971267	0.0910037	-0.0939423	1
XLOC_012541	UBE2E3	chr2:181845111-181928150	48.7468	45.6756	-0.0938851	0.944724
XLOC_014695	THAP7	chr22:21354060-21368576	31.4723	29.4906	-0.0938274	0.959024
XLOC_018676	HIST1H3B	chr6:26031816-26032288	1.24348	1.16521	-0.0937964	0.991938
XLOC_014761	SF3A1	chr22:30727976-30773894	21.6556	20.2929	-0.0937616	0.950104
XLOC_015730	HYAL3,NAT6	chr3:50330258-50336899	26.7162	25.0356	-0.0937303	0.952905
XLOC_013215	TTC21B	chr2:166729871-166810348	1.74734	1.63756	-0.0936121	0.959465
XLOC_017515	PRR7	chr5:176853686-176883287	41.4509	38.8475	-0.0935788	0.98439
XLOC_013450	NDUFA10	chr2:240896788-240964815	19.1262	17.9252	-0.0935578	0.946393
XLOC_010535	PNPLA6	chr19:7599037-7626653	30.8539	28.9166	-0.0935545	0.945946
XLOC_011836	TEAD2	chr19:49838676-49865714	9.82982	9.21265	-0.0935498	0.956373
XLOC_001774	PRKAB2	chr1:146626684-146644125	3.35943	3.14852	-0.0935431	0.952905
XLOC_010877	AXL	chr19:41725107-41767671	225.877	211.707	-0.0934693	0.950929
XLOC_022822	GBA2	chr9:35697333-35749225	10.3019	9.65567	-0.0934693	0.986822
XLOC_011408	OLFAM2	chr19:9964393-10047070	0.0271893	0.025484	-0.0934463	1
XLOC_005829	POLR1D	chr13:28194879-28241559	254.135	238.196	-0.0934443	0.950929
XLOC_014934	OGG1	chr3:9791627-9811668	15.4285	14.4618	-0.0933467	0.979701
XLOC_011520	ANO8	chr19:17420336-17445638	2.20948	2.07114	-0.093278	0.990857
XLOC_023932	PHKA1	chrX:71798663-71934029	5.89832	5.52923	-0.0932255	0.952399
XLOC_019001	GPR63	chr6:97241997-97283533	0.918021	0.860599	-0.0931862	0.966946
XLOC_020471	ZMIZ2	chr7:44788529-44809479	12.9752	12.1639	-0.0931513	0.949914
XLOC_017394	ARHGAP26	chr5:142150291-142608572	0.437528	0.410185	-0.0931027	0.970232
XLOC_016826	COQ2	chr4:84184976-84206067	17.9527	16.8309	-0.0930909	0.952905
XLOC_005489	MAP3K12	chr12:53845885-53893444	7.23429	6.78252	-0.0930295	0.994728
XLOC_000439	AK4	chr1:65613231-65697828	16.6544	15.6145	-0.0930191	0.947247
XLOC_017032	UFSP2	chr4:186317839-186347135	10.4222	9.77151	-0.0929805	0.96099
XLOC_010027	ENTHD2	chr17:79202076-79212891	14.3012	13.4087	-0.0929583	0.956382
XLOC_009361	FLJ43681	chr17:81174665-81188573	0.734568	0.688731	-0.0929556	0.979701
XLOC_009035	GRB7	chr17:37894161-37903538	0.0734597	0.0688784	-0.0929016	1
XLOC_015764	ITIH4	chr3:52847005-52864717	0.272905	0.255899	-0.0928203	1
XLOC_005629	SOCS2-AS1	chr12:93959403-93970521	0.593731	0.556743	-0.0927979	0.987693
XLOC_004250	SYT7	chr11:61281187-61348344	2.65833	2.49277	-0.0927682	0.958814
XLOC_005197	EP400	chr12:132434464-13256501	2.81322	2.63818	-0.0926781	0.950929
XLOC_006269	ARHGFE40	chr14:21538526-21558036	2.64102	2.47673	-0.0926605	0.96128
XLOC_021206	C7orf43	chr7:99752042-99756302	10.2049	9.57013	-0.092656	0.958201

XLOC_001271	KIAA2013	chr1:11979644-11986485	60.3059	56.5548	-0.0926506	0.947247
XLOC_010153	IMPACT	chr18:22006608-22033494	4.04213	3.79094	-0.0925612	0.955709
XLOC_002736	HTRA1	chr10:124221040-12427442	0.470836	0.441605	-0.0924668	0.985921
XLOC_009212	BCAS3	chr17:58755171-59470199	2.68744	2.52069	-0.0924148	0.962558
XLOC_008151	MMP15	chr16:58059281-58080804	7.14788	6.70489	-0.0923022	0.955758
XLOC_015266	ZDHC23	chr3:113666747-113681827	3.58047	3.35857	-0.0923001	0.958814
XLOC_022944	FAM120AOS	chr9:96208781-96328397	18.6087	17.4555	-0.0922952	0.984043
XLOC_018194	NFKB1L1	chr6:31514627-31526606	40.4432	37.937	-0.0922937	0.950929
XLOC_014162	MORC3	chr21:37692486-37748944	3.32141	3.11559	-0.0922909	0.954907
XLOC_001919	SH2D2A	chr1:156776034-156851642	3.50633	3.28913	-0.0922545	0.974494
XLOC_009318	PGS1	chr17:76374734-76573476	11.0045	10.3231	-0.092222	0.958814
XLOC_005554	CTDSP2	chr12:58213709-58240747	25.0422	23.4921	-0.0921848	0.946555
XLOC_011809	FAM83E	chr19:49103856-49116694	0.48682	0.456721	-0.0920736	0.987235
XLOC_010371	MEX3C	chr18:48700919-48724051	7.46178	7.00051	-0.0920591	0.954559
XLOC_014463	CABIN1	chr22:24407764-24574596	8.89238	8.34274	-0.0920472	0.950684
XLOC_005986	TNFSF13B	chr13:108921976-10896082	0.0345277	0.0323949	-0.0919845	1
XLOC_005900	ST13P4	chr13:50746153-50747751	0.101877	0.0955889	-0.0919173	1
XLOC_004062	NR1P3	chr11:9002122-9025596	0.00786374	0.00737837	-0.0919137	1
XLOC_000555	STXBP3	chr1:109289284-109352148	6.41388	6.01843	-0.091811	0.954188
XLOC_012893	SEPT8	chr5:132083136-132113567	10.4696	9.82462	-0.0917306	0.950929
XLOC_015466	ABCG5	chr2:44039610-44065958	0.0065046	0.00610425	-0.091648	1
XLOC_015466	B3GNT5	chr3:182895830-183145855	2.57999	2.42122	-0.091629	0.960099
XLOC_011476	PODNL1	chr19:14041999-14072256	0.132336	0.124195	-0.0915973	1
XLOC_010675	MRPL34	chr19:17416476-17417652	84.9902	79.768	-0.0914853	0.950929
XLOC_000679	LINC00568	chr1:150488232-150490508	0.209821	0.196931	-0.0914717	1
XLOC_008896	SMCR8	chr17:18218593-18266856	2.27474	2.13503	-0.0914465	0.979701
XLOC_009168	EPN3	chr17:48610047-48621111	0.0178949	0.016796	-0.0914254	1
XLOC_010749	ZNF507	chr19:32836513-32878573	1.43154	1.34366	-0.091398	0.959293
XLOC_018948	B3GAT2	chr6:71377478-71666788	2.11183	1.98221	-0.0913799	0.990324
XLOC_022214	TOP1MT	chr8:144391496-144442147	113.596	106.626	-0.0913563	0.945946
XLOC_003643	PELI3	chr11:66233797-66244808	11.8465	11.1202	-0.0912723	0.956373
XLOC_000457	ZRANB2-AS2	chr1:71547006-71703406	0.275541	0.258679	-0.0911078	1
XLOC_016578	SAP30	chr4:174292092-174298682	42.2164	39.6342	-0.0910584	0.954768
XLOC_007966	COQ7	chr16:19078916-19091417	3.99708	3.7526	-0.0910554	0.959465
XLOC_001211	NADK	chr1:1682670-1711508	42.3355	39.7497	-0.0909221	0.950929
XLOC_005776	NCOR2	chr12:124808956-12505207	10.0885	9.47297	-0.0908223	0.950408
XLOC_001662	ARHGAP29	chr1:94634462-94703307	34.4693	32.3664	-0.0908152	0.952371
XLOC_018363	ZNF451	chr6:56954807-57035098	3.95245	3.71134	-0.0908058	0.95534
XLOC_007162	TYRO3	chr15:41851219-41871536	17.0639	16.0231	-0.0907899	0.950929
XLOC_008327	LMF1	chr16:903634-1031318	24.9212	23.4026	-0.0907065	0.954907
XLOC_017370	PCDHB3	chr5:140480233-140483406	0.176993	0.166209	-0.0907005	1
XLOC_004293	PLA2G16	chr11:63341943-63381941	69.2336	65.0157	-0.0906849	0.950929
XLOC_001518	GPBP1L1	chr1:46092975-46152302	11.1878	10.5062	-0.0906802	0.950929
XLOC_021504	SORBS3	chr8:22409250-22433008	116.232	109.153	-0.0906592	0.950929
XLOC_002464	MTRNR2L5	chr10:57358749-57360487	0.00772483	0.00725439	-0.0906485	1
XLOC_020673	LOC100289561,PRKRIP1	chr7:102004307-102067125	30.5637	28.7029	-0.0906256	0.960403
XLOC_016485	USP53	chr4:120133781-120216672	1.08888	1.02259	-0.0906215	0.965148
XLOC_006018	GJA3	chr13:20712394-20735183	0.703194	0.660402	-0.0905784	0.974044
XLOC_014800	IFT27	chr22:37154245-37172177	11.8735	11.152	-0.0904504	0.965573
XLOC_023059	RC3H2	chr9:125611731-125667562	2.9617	2.78173	-0.0904447	0.962439
XLOC_005725	FBXO21	chr12:117581584-117628302	4.27975	4.01973	-0.09043	0.956807
XLOC_016206	KIAA0232	chr4:6784458-6885899	1.78773	1.67913	-0.0904166	0.959457
XLOC_017070	PAPD7	chr5:6714717-6757161	10.6704	10.0225	-0.0903763	0.950929
XLOC_007588	ARPP19	chr15:52839431-52861213	14.3334	13.4639	-0.0902853	0.950929
XLOC_004703	NANOG	chr12:7941994-7948655	0.0081654	0.00767014	-0.0902708	1
XLOC_011601	DMKN	chr19:35988118-36004560	84.2289	79.1228	-0.090223	0.958814
XLOC_014897	BRD1	chr22:50166936-50218452	5.77111	5.42146	-0.0901666	0.955406
XLOC_022177	ASAP1	chr8:131064350-131455902	12.8875	12.1069	-0.090142	0.950929
XLOC_001014	PFKFB2	chr1:207226619-207254362	1.53242	1.43963	-0.0901075	0.965148
XLOC_003542	TMEM216	chr11:61159831-61166335	31.6312	29.7166	-0.0900783	0.95534
XLOC_023544	FAM199X	chrX:103411155-103440582	3.09336	2.90617	-0.090057	0.954768
XLOC_014979	KAT2B	chr3:20081523-20195896	1.54435	1.45091	-0.0900422	0.966946
XLOC_005517	PMEL	chr12:56347888-56360496	0.877446	0.824407	-0.0899539	0.979701
XLOC_015832	CGGBP1	chr3:88101099-88207115	8.73365	8.20602	-0.0899016	0.965122
XLOC_010040	FAM195B	chr17:79780292-79791167	66.725	62.6954	-0.0898693	0.951659
XLOC_008700	TAF1C	chr16:84178864-84220676	14.6335	13.7503	-0.0898066	0.953101
XLOC_001140	COX20	chr1:244998638-245010242	4.98281	4.68218	-0.0897766	0.979875
XLOC_017561	MRPL36	chr5:1798498-1799956	109.174	102.588	-0.0897641	0.950929
XLOC_013928	NECAB3	chr20:32244892-32262264	32.7209	30.7483	-0.0897058	0.954677
XLOC_007694	RPP25	chr15:75247442-75249775	62.8477	59.0589	-0.0897054	0.950929
XLOC_014360	C21orf2	chr21:45748826-45759285	4.94048	4.64291	-0.0896231	0.970195
XLOC_010390	RNF152	chr18:59482303-59560304	0.897289	0.843256	-0.089601	0.979875
XLOC_017022	IRF2	chr4:185308875-185395726	4.99517	4.69452	-0.0895564	0.961432
XLOC_008824	SNORA48	chr17:7465308-7482324	25.0042	23.4997	-0.0895247	0.996453
XLOC_004092	PIK3C2A	chr11:17108123-17191354	2.68489	2.48915	-0.0895205	0.955669
XLOC_011279	MEX3D	chr19:1554667-1568057	27.5293	25.8738	-0.0894729	0.95534
XLOC_015226	TMEM45A	chr3:100211462-100296282	14.9661	14.0662	-0.0894679	0.958814
XLOC_001549	ZCCHC11	chr1:52888947-53018762	1.9811	1.862	-0.0894502	0.959465
XLOC_023252	TBL1X	chrX:9431334-9687780	5.29945	4.98086	-0.089448	0.955758

XLOC_010291	SPIRE1	chr18:12446510-12657912	5.38005	5.0569	-0.0893674	0.954677
XLOC_005076	RIC8B	chr12:106751435-10728305	1.6424	1.54376	-0.0893603	0.974044
XLOC_002720	NANOS1	chr10:120789227-12079385	2.60286	2.44679	-0.0892067	0.963219
XLOC_022062	IMPA1	chr8:82569150-82598589	9.37763	8.81539	-0.0891994	0.953936
XLOC_000904	RALGAP2	chr1:178694299-178889237	2.51433	2.36359	-0.0891954	0.959465
XLOC_007455	WHAMMP3	chr15:23187728-23208357	0.178969	0.168247	-0.0891213	1
XLOC_024035	SEPT6	chrX:118749687-118827331	7.638	7.18071	-0.0890689	0.95534
XLOC_016929	SCLT1	chr4:129805151-130014764	1.90062	1.78687	-0.0890306	0.966946
XLOC_014561	GTPBP1	chr22:39101806-39129592	13.8577	13.0286	-0.0890086	0.954768
XLOC_009802	MRPL45P2	chr17:45527592-45569986	2.56087	2.40779	-0.0889229	0.976214
XLOC_022571	LRSAM1	chr9:130213764-130265780	16.4597	15.4769	-0.0888197	0.954188
XLOC_012805	WDR35	chr2:20110028-20189884	1.73929	1.63557	-0.0887102	0.959465
XLOC_022423	SPIN1	chr9:91003296-91093622	8.96212	8.42787	-0.088672	0.950929
XLOC_005908	ALG11,UTP14C	chr13:52586522-52607736	1.91083	1.79701	-0.0886066	0.972111
XLOC_012615	CREB1	chr2:208394615-208470284	2.03674	1.91546	-0.088572	0.955966
XLOC_020850	ZNF775	chr7:150076405-150095715	9.46042	8.89722	-0.0885494	0.966442
XLOC_012531	HOXD3	chr2:177028804-177037826	0.797974	0.750477	-0.0885343	0.981044
XLOC_013509	MAVS	chr20:3827445-3856770	3.74221	3.51955	-0.0884995	0.95467
XLOC_023525	ARMCX5,ARMCX5-GPRAS1	chrX:101854095-101972667	3.1463	2.95915	-0.0884743	0.965573
XLOC_004065	DENND5A	chr11:9160374-9286873	9.20574	8.6584	-0.0884326	0.951559
XLOC_009589	NUFIP2	chr17:27582853-27621166	4.51162	4.24345	-0.0884079	0.950929
XLOC_022962	ZNF782	chr9:99579272-99616389	0.742043	0.697983	-0.0883123	0.976756
XLOC_021146	TMEM243	chr7:86781676-86849031	15.7875	14.8507	-0.0882451	0.976198
XLOC_022435	CENPP	chr9:95059639-95432547	1.82857	1.72016	-0.088178	0.991767
XLOC_010489	MRPL54	chr19:3762664-3767563	75.2664	70.8048	-0.0881593	0.956807
XLOC_008222	ATXN1L	chr16:71879893-71891236	2.19078	2.06093	-0.0881521	0.959465
XLOC_015224	NIT2	chr3:100053561-100074478	65.4923	61.6148	-0.0880482	0.952469
XLOC_016280	FAM114A1	chr4:38869353-38947365	4.93573	4.64357	-0.0880294	0.959465
XLOC_015896	RABL3	chr3:120405527-120461384	4.10986	3.8666	-0.0880217	0.959465
XLOC_016182	ADD1	chr4:2845583-2931802	21.2972	20.0373	-0.0879819	0.952469
XLOC_014536	NCF4	chr22:37257029-37274059	0.0152773	0.0143743	-0.0878998	1
XLOC_020363	ZDHHC4	chr7:6617064-6628610	43.7111	41.1277	-0.0878895	0.954677
XLOC_000262	RBBP4	chr1:33116748-33168361	8.04214	7.56687	-0.087884	0.977332
XLOC_018703	HIST1H1B	chr6:27834569-27835359	0.0396558	0.0373138	-0.0878203	1
XLOC_008136	CPNE2	chr16:57126454-57181878	29.7498	27.9938	-0.0877701	0.952905
XLOC_022721	RANBP6	chr9:60110118-6015640	4.98627	4.69212	-0.0877218	0.956711
XLOC_007890	SRRM2	chr16:2787076-2821413	39.9792	37.6238	-0.0876044	0.952905
XLOC_018929	GSTA4	chr6:52842745-52860178	11.7745	11.081	-0.0875782	0.960763
XLOC_022840	SHB	chr9:37915894-38069210	10.7751	10.1405	-0.0875772	0.954559
XLOC_004071	RNF141	chr11:10533224-10562774	3.40758	3.20695	-0.0875424	0.959465
XLOC_000774	TMEM79	chr1:156252703-156262234	3.87604	3.64809	-0.0874406	0.972989
XLOC_020882	RNF32	chr7:156433352-156469820	1.61899	1.52379	-0.0874299	0.977523
XLOC_008402	ROGD1	chr16:4846962-4852951	9.51161	8.95242	-0.0874108	0.966566
XLOC_019083	STX7	chr6:132778662-132834337	5.03691	4.74083	-0.0873987	0.957925
XLOC_007319	FBXO22	chr15:76196199-76227608	7.13999	6.72039	-0.0873783	0.972111
XLOC_012370	LOC400894	chr2:110744556-110752858	1.72445	1.62315	-0.0873436	0.977332
XLOC_016734	TXK	chr4:48068409-48136273	0.0667477	0.0628272	-0.0873299	1
XLOC_014454	RGL4	chr22:23980674-24059610	0.647958	0.609899	-0.0873287	0.990857
XLOC_001664	CNN3	chr1:95362506-95392735	73.7938	69.4655	-0.0872032	0.952216
XLOC_019027	SNX3	chr6:108532716-108582464	138.531	130.408	-0.0871801	0.954559
XLOC_006633	ZNF839	chr14:102783713-102809574	4.84455	4.56077	-0.0870828	0.96103
XLOC_010507	FEM1A	chr19:4791727-4795571	18.1924	17.128	-0.0869849	0.952905
XLOC_005551	CYP2B1	chr12:58156116-58160976	1.82523	1.71847	-0.0869596	0.977332
XLOC_009521	FAM211A	chr17:16342300-16395505	2.88011	2.71195	-0.0867906	0.996453
XLOC_020587	DMTF1	chr7:86781676-86849031	3.45657	3.2549	-0.0867248	0.976618
XLOC_004295	C11orf95	chr11:63527363-63536113	4.95885	4.66963	-0.0866954	0.958902
XLOC_018001	RNF130	chr5:179382473-179499105	52.3135	49.2631	-0.086675	0.951673
XLOC_012900	ATP6V1E2	chr2:46738985-46747096	2.47851	2.334	-0.0866706	0.972111
XLOC_015661	LIMD1-AS1	chr3:45636322-45730374	5.52286	5.2012	-0.0865712	0.979733
XLOC_003549	MYRF	chr11:61520120-61555989	4.11228	3.87281	-0.0865597	0.959465
XLOC_020455	CDK13	chr7:39989958-40136733	1.77285	1.66966	-0.0865172	0.964792
XLOC_002752	C10orf137	chr10:127408083-127452774	1.90088	1.79053	-0.0862829	0.966946
XLOC_005648	GOLGA2P5	chr12:100550174-100567121	1.45777	1.37315	-0.0862732	0.977095
XLOC_001649	ZNF644	chr1:91380856-91487812	6.58644	6.20412	-0.0862717	0.964792
XLOC_023035	ASTN2	chr9:119187503-120177317	3.28477	3.09428	-0.0861905	0.987693
XLOC_007380	AKAP13	chr15:85923846-86292589	1.62116	1.52722	-0.0861229	0.961224
XLOC_010034	ACTG1	chr17:79476996-79479892	3404.24	3207.03	-0.0860945	0.966566
XLOC_008655	MTSS1L	chr16:70695106-70719954	14.9884	14.1208	-0.0860229	0.954287
XLOC_016828	HELQ	chr4:84328498-84377025	2.15407	2.02945	-0.085978	0.965573
XLOC_011427	TMED1	chr19:10943113-10946983	34.0163	32.0495	-0.0859234	0.958201
XLOC_004236	PATL1	chr11:59404191-59436511	14.6051	13.761	-0.0858845	0.954677
XLOC_011442	ZNF433	chr19:12125531-12146525	1.49879	1.41219	-0.0858611	0.976618
XLOC_017216	MSH3	chr5:79922044-80172634	0.411965	0.388163	-0.0858601	0.994615
XLOC_011539	CRLF1	chr19:18704034-18717660	0.962141	0.906577	-0.0858182	0.984772
XLOC_024082	GPC4	chrX:132435063-132549201	6.62718	6.24453	-0.085801	0.958814
XLOC_017428	SMIM3	chr5:150157507-150176298	9.26553	8.73056	-0.0857994	0.959465
XLOC_009335	C17orf89	chr17:79213110-79215098	83.7141	78.8824	-0.085768	0.958814
XLOC_005708	HECTD4	chr12:112597991-11281985	0.777029	0.732199	-0.0857328	0.959517
XLOC_008822	TNFSF12,TNFSF12-TNFSF1	chr17:7452374-7464925	17.2247	16.2321	-0.0856312	0.964222

XLOC_003725	TSKU	chr11:76493356-76509198	16.2532	15.3182	-0.0854774	0.956382
XLOC_014930	SETD5	chr3:9439402-9519838	7.30397	6.8845	-0.0853279	0.954705
XLOC_009663	MED1	chr17:37560537-37607527	5.02928	4.74049	-0.0853142	0.954559
XLOC_003933	BET1L	chr11:202923-207422	22.0112	20.7475	-0.0852957	0.953101
XLOC_012122	YPEL5	chr2:30369749-30383399	17.3257	16.3314	-0.085265	0.955758
XLOC_023815	CXorf38	chrX:40486172-40506819	2.24816	2.11923	-0.0852052	0.966946
XLOC_003223	PTDSS2	chr11:450279-491387	47.5638	44.8361	-0.0852011	0.954768
XLOC_014230	PRMT2	chr21:48055506-48085155	19.9523	18.809	-0.0851308	0.957507
XLOC_001195	FAM132A	chr1:1177825-1182102	1.73377	1.63452	-0.0850448	0.986919
XLOC_017804	AFF4	chr5:132211070-13229935	3.39289	3.19884	-0.0849683	0.955558
XLOC_002687	ADD3	chr10:111705316-11189532	3.33416	3.14348	-0.0849605	0.961432
XLOC_004953	MARCH9	chr12:58148880-58154193	15.9134	15.0034	-0.0849481	0.955758
XLOC_002578	FAS	chr10:90694830-90775542	4.14904	3.91179	-0.0849475	0.971121
XLOC_005931	BORA	chr13:73302041-73590591	4.41171	4.15955	-0.0849122	0.988154
XLOC_003707	MRPL48	chr11:73498916-73575656	24.7788	23.3628	-0.0848928	0.958814
XLOC_018368	LOC441155	chr6:64429875-66417118	0.0969797	0.0914415	-0.0848341	1
XLOC_005501	ZNF385A	chr12:54762919-54785083	15.8867	14.9795	-0.0848287	0.959465
XLOC_008090	PHKB	chr16:47495209-47735434	4.14633	3.90956	-0.0848276	0.958201
XLOC_004419	PRKRIR	chr11:76061003-76091880	11.7332	11.0633	-0.0848213	0.95534
XLOC_015477	ABCF3	chr3:183903862-183911795	21.7285	20.4879	-0.0848188	0.954768
XLOC_003401	CD44	chr11:35160416-35253949	78.6305	74.1422	-0.0847941	0.95534
XLOC_017244	CAST	chr5:95997740-96149848	32.7767	30.9077	-0.0847073	0.961224
XLOC_011313	APBA3	chr19:3708334-3761673	11.5837	10.9232	-0.0847052	0.965735
XLOC_015541	FYTTD1	chr3:197398258-197511317	8.19563	7.72833	-0.0846996	0.97028
XLOC_015843	FILIP1L	chr3:99273152-99897476	2.7706	2.61268	-0.0846687	0.989268
XLOC_003397	CAT	chr11:34460471-34483607	7.69648	7.25791	-0.084646	0.962618
XLOC_000216	WDTC1	chr1:27561006-27635124	1.38055	1.30197	-0.0845513	0.972989
XLOC_016640	MFSD10	chr4:2932287-2936586	171.705	161.943	-0.0844411	0.954768
XLOC_014031	ATP9A	chr20:50213313-50384908	3.00183	2.83121	-0.0844239	0.959293
XLOC_006496	CHGA	chr14:93389444-93401638	0.011352	0.0107071	-0.0843755	1
XLOC_016172	TACC3	chr4:1723216-1746905	39.7974	37.5383	-0.0843122	0.954768
XLOC_010428	FSTL3	chr19:676388-683392	36.5177	34.4454	-0.0842858	0.95534
XLOC_013638	MANBAL	chr20:35918050-35945663	59.0488	55.6983	-0.0842759	0.954677
XLOC_023981	ARMCX6	chrX:100870107-10087299	33.262	31.3756	-0.0842314	0.962439
XLOC_023877	KDM5C	chrX:53220502-53254604	21.412	20.199	-0.0841351	0.954559
XLOC_018136	ZNF165	chr6:28048481-28057340	9.74987	9.19762	-0.0841228	0.959465
XLOC_008755	HIC1	chr17:1958392-1962981	5.77118	5.44431	-0.0841159	0.973348
XLOC_012826	DTNB	chr2:25600066-25896516	13.0224	12.2848	-0.0841145	0.959465
XLOC_009048	RARA	chr17:38465422-38513895	9.60173	9.05839	-0.0840396	0.960403
XLOC_014504	MTFP1	chr22:30821610-30825041	152.944	144.293	-0.0840012	0.95534
XLOC_014815	C22orf23	chr22:38339056-38365319	3.87991	3.66055	-0.0839617	0.991767
XLOC_004285	CHRM1	chr11:62676150-62689012	0.00822238	0.00775764	-0.0839381	1
XLOC_017758	GIN1	chr5:102421703-102455842	0.893769	0.843258	-0.0839268	0.977332
XLOC_000052	KCNAB2	chr1:5922869-6161253	38.1514	35.9958	-0.0839081	0.957741
XLOC_003679	FADD	chr11:70049268-70053508	31.6516	29.8638	-0.0838801	0.956373
XLOC_015562	RPUSD3	chr3:9879532-9885702	64.2569	60.6302	-0.083816	0.954768
XLOC_002337	ITH2	chr10:7745235-7791483	0.00863584	0.00814874	-0.0837601	1
XLOC_017598	GOLPH3	chr5:32124823-32174425	17.9142	16.9041	-0.0837328	0.956382
XLOC_014766	SEC14L4	chr22:30884897-30901698	1.57147	1.48287	-0.0837302	0.977332
XLOC_005537	ZBTB39	chr12:57392616-57400297	1.63571	1.54353	-0.0836846	0.966946
XLOC_016580	CEP44	chr4:175157809-175254537	1.92893	1.82027	-0.0836493	0.979215
XLOC_006417	SLC39A9	chr14:69865095-69929107	15.2288	14.3718	-0.0835616	0.966946
XLOC_001219	PANK4	chr1:2439974-2458035	11.1687	10.5403	-0.0835435	0.962439
XLOC_005875	LACC1	chr13:44410488-44468068	1.02681	0.969062	-0.0835133	0.978196
XLOC_011975	ZNF579	chr19:56088890-56092211	33.5739	31.6881	-0.0834001	0.959465
XLOC_002542	TMEM254	chr10:81805988-81852307	1.92718	1.81912	-0.0832538	0.976618
XLOC_012290	LINC00152	chr2:87754973-87821030	484.073	456.958	-0.0831633	0.95534
XLOC_022318	PRSS3	chr9:33750463-33799229	54.3968	51.3509	-0.0831309	0.958814
XLOC_009118	CRHR1	chr17:43697709-43913194	9.13939	8.62766	-0.0831281	0.97028
XLOC_022863	LOC440896	chr9:69174213-69181041	0.111099	0.104879	-0.0831211	1
XLOC_021329	WDR19	chr7:134868589-134896316	2.61097	2.46489	-0.0830626	0.966946
XLOC_010909	ZNF221	chr19:44445396-44471752	0.0644555	0.0608509	-0.0830259	1
XLOC_014846	CHADL	chr22:41601312-41636935	0.030845	0.0291201	-0.0830202	1
XLOC_003764	C11orf54	chr11:93474792-93496247	4.40927	4.16298	-0.0829214	0.966946
XLOC_000740	ATP8B2	chr1:154298035-154323780	0.885385	0.835951	-0.0828877	0.974585
XLOC_011822	GYS1	chr19:49471381-49496610	51.9256	49.0268	-0.0828736	0.956807
XLOC_010621	NFIX	chr19:13106583-13209610	7.20353	6.80141	-0.0828706	0.959465
XLOC_003625	KAT5	chr11:65479472-65488409	12.0476	11.3751	-0.0828684	0.981894
XLOC_003964	IFITM10	chr11:1490684-1785501	0.723279	0.682923	-0.0828294	0.996079
XLOC_017321	TCF7	chr5:133450401-133483920	6.23752	5.8901	-0.0826799	0.964792
XLOC_005398	SCAF11	chr12:46312913-46384401	3.85068	3.63666	-0.0824973	0.956807
XLOC_002822	FRMD4A	chr10:13685705-14372866	11.9107	11.2488	-0.0824857	0.957925
XLOC_005024	MRPL42	chr12:93861265-93897548	13.4007	12.6562	-0.0824665	0.958814
XLOC_002650	SFXN3	chr10:102790995-10280095	36.6742	34.6369	-0.082455	0.955642
XLOC_018228	LOC100507463	chr6:32808493-32821748	1.12941	1.06668	-0.0824473	0.969634
XLOC_014034	ZNF217	chr20:52183609-52199636	1.83774	1.73569	-0.0824246	0.967901
XLOC_016153	BDH1	chr3:197236653-197300194	22.5519	21.3005	-0.0823622	0.955531
XLOC_000135	CROCC	chr1:17248444-17299474	5.65153	5.33796	-0.0823521	0.963266
XLOC_017418	ARHGEF37	chr5:148961134-149014527	0.387883	0.366412	-0.0821538	0.979733

XLOC_014948	SLC6A1	chr3:11034419-11080935	0.00412992	0.00390138	-0.0821316	1
XLOC_012904	CALM2	chr2:47387220-47403740	269.207	254.316	-0.0820921	0.958814
XLOC_001455	MEAF6	chr1:37955560-37980420	11.2645	10.6415	-0.0820754	0.956373
XLOC_007489	LPCAT4	chr15:34651088-34659395	30.7927	29.0907	-0.0820277	0.958201
XLOC_020700	IFRD1	chr7:112063198-112117251	17.9642	16.9729	-0.08189	0.959063
XLOC_014505	TCN2	chr22:31003069-31023047	0.0599839	0.0566741	-0.0818865	1
XLOC_016874	BDH2	chr4:103998781-104021024	6.24193	5.89765	-0.0818522	0.961224
XLOC_011392	ZNF558	chr19:8920381-8933565	4.84822	4.58116	-0.0817419	0.965735
XLOC_009230	TCAM1P	chr17:61934375-61941739	0.00472621	0.00446615	-0.0816532	1
XLOC_014665	BID	chr22:18216905-18257431	31.036	29.3283	-0.0816494	0.956807
XLOC_022122	PABPC1	chr8:101715143-101734311	866.285	818.662	-0.0815724	0.963219
XLOC_018824	C6orf1	chr6:34214156-34216904	42.9207	40.5621	-0.081542	0.960071
XLOC_011676	AKT2	chr19:40736223-40791302	16.756	15.8361	-0.0814578	0.957925
XLOC_013561	NXT1	chr20:23331372-23335408	37.3553	35.3057	-0.0814135	0.959465
XLOC_014883	KIAA0930	chr22:45588122-45636650	11.846	11.1962	-0.0813953	0.956821
XLOC_020370	LOC729852	chr7:7676574-7918851	2.81274	2.65846	-0.0813854	0.985921
XLOC_015700	ARIH2OS	chr3:48955220-49022971	1.48063	1.39948	-0.081324	0.952371
XLOC_021044	PURB	chr7:44915891-44924960	3.95754	3.77685	-0.08128	0.958201
XLOC_011919	ZNF600	chr19:53268747-53290034	4.79173	4.52926	-0.0812686	0.965735
XLOC_010330	ZNF24	chr18:32912177-32924426	5.55916	5.25492	-0.0811976	0.957925
XLOC_002775	ZNF511	chr10:135092133-13512666	34.7673	32.8648	-0.081186	0.984917
XLOC_006494	RIN3	chr14:92980124-93155334	11.0163	10.4137	-0.0811592	0.961224
XLOC_008276	FOX11	chr16:86612114-86615304	0.0700986	0.0662644	-0.0811509	1
XLOC_001089	GUK1	chr1:228327784-228336651	273.13	258.198	-0.0811094	0.958814
XLOC_005087	ACACB	chr12:109577201-10970603	0.450119	0.425544	-0.0809995	0.978162
XLOC_005549	AGAP2	chr12:58118075-58135944	0.4493	0.424771	-0.0809937	0.994615
XLOC_002023	PIGC	chr1:172389827-172437961	12.3304	11.6576	-0.0809542	0.963266
XLOC_009765	MP3	chr17:41878166-41910547	5.34457	5.0533	-0.0808463	0.966566
XLOC_016365	MOB1B	chr4:71768056-71853891	1.53399	1.45041	-0.0808286	0.966946
XLOC_006993	AKT1	chr14:105235686-10526201	67.9965	64.2929	-0.0808013	0.957865
XLOC_018870	USP49	chr6:41765382-41863099	0.161709	0.152905	-0.0807676	1
XLOC_014379	POFUT2	chr21:46683842-46707811	9.2992	8.79296	-0.0807562	0.965148
XLOC_017185	FCHO2	chr5:72251807-72386349	1.85865	1.75751	-0.0807243	0.967901
XLOC_004810	ARID2	chr12:46123619-46301819	1.8054	1.70716	-0.0807202	0.965148
XLOC_023084	SH2D3C	chr9:130500595-130541041	0.283368	0.267949	-0.0807193	1
XLOC_006736	TINF2	chr14:24708850-24711880	16.6788	15.7717	-0.0806735	0.962215
XLOC_002422	ZNF32-AS1	chr10:44124264-44170147	19.1146	18.0752	-0.0806577	0.989344
XLOC_010468	SPPL2B	chr19:2328628-2355100	5.99327	5.66784	-0.0805438	0.967901
XLOC_012076	NCOA1	chr2:24807345-24993570	1.91708	1.81305	-0.0804949	0.967901
XLOC_004270	BSC1L2.HNRNPUL2	chr11:62457733-62494857	28.3428	26.8062	-0.080418	0.967799
XLOC_013785	ZGPAT	chr20:62289162-62367494	14.8949	14.0877	-0.0803824	0.985283
XLOC_018019	DUSP2	chr6:292100-351355	12.2331	11.5704	-0.0803427	0.966946
XLOC_009326	SLC26A11	chr17:78194199-78227308	7.89376	7.46637	-0.0803055	0.966946
XLOC_009093	ARL4D	chr17:41476352-41478504	0.0127712	0.0120801	-0.080266	1
XLOC_015985	ATR	chr3:142168076-142297661	0.910527	0.861265	-0.0802445	0.970729
XLOC_001429	TMEM54	chr1:33352097-33366953	141.198	133.563	-0.080204	0.958568
XLOC_018712	ZSCAN12	chr6:28346597-28367544	0.552931	0.523034	-0.0801935	0.979701
XLOC_000629	SRGAP2D	chr1:121107151-121129827	0.323993	0.306476	-0.0801886	1
XLOC_005654	CCDC53	chr12:102406716-10245581	21.0057	19.8724	-0.0800139	0.965148
XLOC_014575	FAM83F	chr22:40390952-40426043	30.1503	28.5242	-0.0799886	0.959465
XLOC_009323	CCDC40	chr17:78010430-78074412	0.32909	0.311344	-0.0799719	1
XLOC_015223	TBC1D23	chr3:99979660-100044096	9.43152	8.92312	-0.0799424	0.959465
XLOC_022927	NFIL3	chr9:94171326-94186144	28.8168	27.2635	-0.0799394	0.958814
XLOC_022293	RRAGA	chr9:19049371-19051021	66.4999	62.9169	-0.0799029	0.958814
XLOC_000530	AGL	chr1:100315639-100389571	1.87179	1.77095	-0.0798977	0.965148
XLOC_003772	PIWIL4	chr11:94300473-94354587	0.382422	0.36185	-0.0797721	0.98297
XLOC_022294	DENND4C	chr9:19230762-19374137	2.57491	2.43645	-0.0797373	0.961412
XLOC_015133	ABHD14A.ACY1	chr3:52009041-52023218	89.1825	84.3877	-0.0797274	0.96103
XLOC_000243	SERINC2	chr1:31882411-31907527	31.9225	30.2071	-0.079683	0.959465
XLOC_005493	CALCOCO1	chr12:54104901-54121307	8.68216	8.21615	-0.0795924	0.963209
XLOC_022205	LOC100288181	chr8:143781528-143808391	0.337744	0.319637	-0.0794965	1
XLOC_014893	CERK	chr22:47080306-47134152	11.7734	11.1424	-0.0794647	0.960071
XLOC_009850	TOB1	chr17:48939586-48945732	11.5219	10.9045	-0.079451	0.964963
XLOC_004813	SLC48A1	chr12:48166966-48213763	9.94636	9.41352	-0.0794331	0.982412
XLOC_005215	KDM5A	chr12:389222-551806	2.30578	2.18228	-0.0794236	0.966946
XLOC_001896	RIT1	chr1:155867598-155881191	5.93648	5.61857	-0.0794059	0.963773
XLOC_020728	SND1	chr7:127292201-12732651	91.778	86.8643	-0.0793848	0.958814
XLOC_007867	NPW	chr16:2069520-2070756	0.364256	0.344779	-0.0792785	0.990857
XLOC_018742	PPP1R18	chr6:30644165-30655672	55.4591	52.4945	-0.0792568	0.959063
XLOC_005707	NAA25	chr12:112464492-11254663	4.50377	4.26303	-0.0792538	0.961432
XLOC_016535	PRSS48	chr4:152198324-152212601	0.0304994	0.0288698	-0.0792191	1
XLOC_010416	MBP	chr18:74690788-74844774	3.56414	3.37384	-0.0791628	0.967978
XLOC_015528	SDHAP2	chr3:195384909-195415731	1.03972	0.984282	-0.0790567	0.979906
XLOC_007874	E4F1	chr16:2273566-2285743	17.8672	16.915	-0.0790111	0.965148
XLOC_007836	METRN	chr16:765172-767480	139.985	132.531	-0.0789483	0.959465
XLOC_016700	SEPSECS	chr4:25121626-25162204	1.04461	0.988992	-0.0789314	0.974044
XLOC_016178	LOC402160	chr4:2420700-2464690	0.0117874	0.0111599	-0.0789197	1
XLOC_011673	ZNF780A	chr19:40575058-40596845	1.63613	1.54919	-0.0787746	0.974056
XLOC_013083	FHL2	chr2:105972782-106055231	379.751	359.572	-0.0787742	0.960857

XLOC_006900	NEK9	chr14:75548817-75593778	5.80804	5.49959	-0.0787268	0.961224
XLOC_004568	SLC37A4	chr11:11895060-1189016	24.6271	23.32	-0.0786806	0.960776
XLOC_009984	EXOC7	chr17:74075262-74099868	29.3469	27.7896	-0.0786631	0.959465
XLOC_019098	AH11	chr6:135605109-13581890	1.55507	1.4726	-0.0786148	0.972123
XLOC_012211	CEP68	chr2:65283494-65357435	2.65376	2.5131	-0.0785692	0.990857
XLOC_000823	PPOX	chr1:161136180-16114101	15.2998	14.489	-0.0785576	0.966946
XLOC_001585	DOCK7	chr1:62920396-63154039	3.19181	3.02276	-0.078511	0.96275
XLOC_004815	PFKM	chr12:48436680-48540187	49.7593	47.1248	-0.0784798	0.964222
XLOC_021250	SRPK2	chr7:104756822-10502934	9.15398	8.66963	-0.0784294	0.959465
XLOC_009862	CUEDC1	chr17:55938603-56032684	5.76876	5.46368	-0.0783879	0.970232
XLOC_021763	DENND3	chr8:142138719-14220590	1.09433	1.03646	-0.0783776	0.977103
XLOC_014828	SUN2	chr22:39130718-39152024	20.0712	19.0107	-0.0783184	0.961224
XLOC_008200	SNTB2	chr16:69221049-69342955	1.44638	1.37002	-0.0782445	0.966946
XLOC_008592	KIFC3	chr16:57792128-57836439	44.3687	42.0268	-0.0782327	0.959465
XLOC_008519	ZNF768	chr16:30535321-30537910	50.491	47.828	-0.0781703	0.959465
XLOC_002002	GPR161	chr1:168048779-16810690	2.58273	2.44656	-0.0781394	0.966442
XLOC_017157	ERBB2IP	chr5:65222381-65376851	6.01371	5.69687	-0.0780881	0.961224
XLOC_007175	TUBGCP4	chr15:43663312-43910998	7.51266	7.11685	-0.0780848	0.959521
XLOC_010446	STK11	chr19:1205797-1228434	21.6466	20.5066	-0.0780542	0.961224
XLOC_007403	IQGAP1	chr15:90931472-91045475	9.51227	9.01183	-0.0779703	0.959465
XLOC_008680	BCAR1	chr16:75262927-75301951	25.1047	23.7846	-0.0779305	0.96128
XLOC_004032	APBB1	chr11:6416354-6440644	16.0939	15.2482	-0.0778702	0.964963
XLOC_006010	UPF3A	chr13:115047058-1150712	14.8532	14.0729	-0.0778526	0.961224
XLOC_003052	IDE	chr10:94211440-94333852	3.39567	3.21745	-0.0777756	0.965607
XLOC_021996	TMEM68	chr8:56651319-56738005	8.94591	8.47678	-0.0777107	0.984917
XLOC_012801	SMC6	chr2:17845078-17935096	1.58625	1.50309	-0.0776885	0.970693
XLOC_013620	ACSS2	chr20:33462765-33515769	6.43301	6.09577	-0.0776852	0.965148
XLOC_001688	WDR47	chr1:109512837-10958485	1.65534	1.56866	-0.0775896	0.97314
XLOC_008322	FBXL16	chr16:742499-755825	26.9509	25.5417	-0.0774839	0.959465
XLOC_013098	LINC00116	chr2:110969105-11098051	14.2402	13.4964	-0.0773893	0.965148
XLOC_009095	DHX8	chr17:41561333-41601680	6.78211	6.42814	-0.0773333	0.963266
XLOC_012834	CGREF1	chr2:27309610-27341995	21.4139	20.2962	-0.0773332	0.972989
XLOC_001489	EDN2	chr1:41944445-41950344	0.019959	0.0189177	-0.0772985	1
XLOC_011496	NOTCH3	chr19:15270443-15311792	0.17335	0.164331	-0.0770807	1
XLOC_016003	PFN2	chr3:149682690-14968874	48.1821	45.6782	-0.0769901	0.959465
XLOC_023292	SMS	chrX:21958690-22012955	186.574	176.9	-0.0768144	0.961224
XLOC_010891	ZNF574	chr19:42580289-42585720	10.8462	10.284	-0.0767775	0.966946
XLOC_003098	MRPL43	chr10:102732285-1027472	91.006	86.2925	-0.0767271	0.969877
XLOC_007417	LOC100507217	chr15:93426072-93441977	37.6669	35.7166	-0.0767039	0.960698
XLOC_020574	DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P1	chr7:76610138-76653076	0.416004	0.394469	-0.0766687	0.989344
XLOC_004843	DIP2B	chr12:50898767-51142450	3.21788	3.05134	-0.0766705	0.965148
XLOC_009216	EFCAB3	chr17:60447578-60493839	0.417458	0.39588	-0.0765679	0.987693
XLOC_011030	RCN3	chr19:50030874-50046890	3.39054	3.21529	-0.0765669	0.979701
XLOC_007245	USP3	chr15:63796709-63894620	9.34009	8.85854	-0.0763668	0.961644
XLOC_001601	DEPDC1	chr1:68939834-68962799	5.44382	5.16318	-0.0763592	0.965573
XLOC_014145	IFNAR2	chr21:34602230-34636820	8.26914	7.84287	-0.0763567	0.972989
XLOC_003173	IKZF5	chr10:124750321-1247683	3.55195	3.36894	-0.0763164	0.967901
XLOC_008817	TMEM102	chr17:7338761-7340998	25.7672	24.4436	-0.0760813	0.966946
XLOC_009251	PRKAR1A	chr17:66507920-66597095	21.1519	20.0673	-0.0759416	0.967024
XLOC_023325	XK	chrX:37545132-37591383	0.411947	0.390851	-0.0758407	0.981197
XLOC_013205	IFIH1	chr2:163123588-16317521	0.591555	0.561264	-0.0758329	0.981044
XLOC_022511	SLC31A2	chr9:115913237-11592642	8.38469	7.95562	-0.0757841	0.970346
XLOC_016657	LOC100129931	chr4:6911170-7059677	9.94867	9.43977	-0.0757518	0.977103
XLOC_004329	AP5B1	chr11:65541368-65548062	7.46277	7.08106	-0.0757471	0.964327
XLOC_017015	WWC2-AS2	chr4:184018173-18402035	0.888241	0.842833	-0.0757037	0.986822
XLOC_012127	SLC30A6	chr2:32390909-32449181	3.72512	3.53471	-0.0756943	0.96671
XLOC_023024	ALAD	chr9:116148591-11616361	7.92605	7.52113	-0.0756522	0.965735
XLOC_020532	POM121	chr7:72349935-72425302	11.7846	11.1825	-0.0756511	0.966946
XLOC_014964	CCDC174	chr3:14693252-14714166	5.00766	4.75199	-0.0756069	0.969963
XLOC_014022	SPATA2	chr20:48519928-48532080	5.04107	4.78383	-0.0755633	0.967901
XLOC_011920	ZNF28	chr19:53300660-53324922	1.40217	1.33062	-0.0755578	0.974762
XLOC_004575	USP2	chr11:119225924-1192524	0.575692	0.546365	-0.0754302	0.984917
XLOC_002612	ENTPD1	chr10:97471535-97849992	1.10554	1.04927	-0.0753739	0.979701
XLOC_010510	KDM4B	chr19:4969123-5153608	12.2216	11.6001	-0.0752879	0.965148
XLOC_004993	TBC1D15	chr12:72233486-72320629	5.81349	5.51799	-0.0752606	0.962215
XLOC_010250	TSHZ1	chr18:72922709-73001905	1.67984	1.59445	-0.0752599	0.976618
XLOC_015034	MYRIP	chr3:39851302-40353915	0.00300667	0.00285389	-0.0752365	1
XLOC_006265	SLC39A2	chr14:21467413-21470034	0.0129823	0.0123231	-0.0751797	1
XLOC_013947	NFS1	chr20:34256609-34288902	10.8857	10.333	-0.0751708	0.986353
XLOC_011002	FGF21	chr19:49259343-49261582	0.0285844	0.0271333	-0.0751638	1
XLOC_014908	LMF2	chr22:50941375-50946135	55.199	52.3978	-0.0751344	0.962618
XLOC_022501	AKAP2,PALM2,PALM2-AKA	chr9:112403067-11293479	5.76558	5.4731	-0.0751059	0.961224
XLOC_014084	ARFRP1	chr20:62289162-62367494	14.8131	14.0617	-0.0750969	0.981135
XLOC_002821	BEND7	chr10:13480483-13544976	7.63252	7.24567	-0.075041	0.967901
XLOC_001028	DIEXF	chr1:210001311-21003091	3.90032	3.70266	-0.0750338	0.964792
XLOC_003436	ZNF408	chr11:46722316-46727466	11.1426	10.5786	-0.0749326	0.97028
XLOC_014560	TOMM22	chr22:39077953-39080766	87.4616	83.0426	-0.0747977	0.961224
XLOC_006375	ARID4A	chr14:58765221-58840451	0.657276	0.624073	-0.0747858	0.978196
XLOC_000651	BCL9	chr1:147013181-14709801	1.85969	1.76575	-0.0747856	0.974044

XLOC_008907	EPN2	chr17:19140689-19240028	8.17896	7.76581	-0.0747809	0.965573
XLOC_003587	PLCB3	chr11:64018994-64036924	22.443	21.3095	-0.0747708	0.959465
XLOC_017259	WDR36	chr5:110427869-110466200	6.67809	6.34081	-0.0747697	0.963219
XLOC_007427	IGF1R	chr15:99192760-99507759	2.34751	2.22896	-0.0747609	0.966946
XLOC_011456	FBXW9	chr19:12799729-12807455	8.54064	8.10967	-0.0747009	0.976595
XLOC_013102	BUB1	chr2:111395408-111435684	15.0823	14.3214	-0.074684	0.961224
XLOC_014358	ICOSLG	chr21:45646721-45660834	2.76259	2.62324	-0.0746708	0.976618
XLOC_000299	KIAA0754	chr1:39547088-39952810	0.256503	0.243573	-0.0746218	1
XLOC_008056	SRCAP	chr16:30710461-30751450	5.28569	5.01924	-0.0746214	0.962215
XLOC_010057	CSNK1D	chr17:80200536-80231594	40.0803	38.06	-0.0746176	0.961224
XLOC_003776	SRSF8	chr11:94800055-94804388	6.88423	6.53737	-0.0745855	0.966946
XLOC_007268	PIAS1	chr15:68346571-68480404	4.5134	4.28616	-0.0745266	0.972989
XLOC_007244	APH1B	chr15:63569748-63601325	4.05629	3.8521	-0.0745152	0.968894
XLOC_008996	RASL10B	chr17:34058678-34070540	10.9391	10.3887	-0.0744817	0.966946
XLOC_007749	BTBD1	chr15:83685180-83736167	22.8732	21.7232	-0.0744194	0.962247
XLOC_013254	TTC30A	chr2:178479025-178483694	0.0964108	0.0915637	-0.0744186	1
XLOC_014970	EAF1	chr3:15469063-15484120	5.70515	5.41856	-0.0743561	0.965573
XLOC_013015	GGCX	chr2:85766100-85788657	6.22764	5.91486	-0.0743428	0.982496
XLOC_008976	RHOT1	chr17:30469472-30552746	5.53551	5.25754	-0.0743274	0.967289
XLOC_004424	CLNS1A	chr11:77327195-77348851	101.571	96.4711	-0.07432	0.962618
XLOC_003632	TSGA10IP	chr11:65713114-65727434	0.29767	0.282725	-0.074312	1
XLOC_014628	TTC38	chr22:46663860-46689905	16.6926	15.8562	-0.0741557	0.965607
XLOC_006306	KHNYN	chr14:24899140-24912007	13.2785	12.6134	-0.0741342	0.974044
XLOC_021173	PKD4	chr7:95212808-95225925	0.22693	0.215571	-0.0740839	1
XLOC_011438	ECSIT,ZNF653	chr19:11594241-11639987	45.4965	43.2206	-0.0740351	0.96955
XLOC_005204	PXMP2	chr12:133264191-13328151	14.6247	13.8942	-0.0739199	0.974169
XLOC_006937	FBLN5	chr14:92335754-92414046	3.20794	3.04773	-0.0739138	0.977332
XLOC_015900	IQCB1	chr3:121488609-121553921	14.1514	13.4455	-0.0738302	0.965148
XLOC_001212	GNB1	chr1:1716724-1822526	99.4227	94.4677	-0.0737547	0.964792
XLOC_010095	SMCHD1	chr18:2655885-2805015	3.13961	2.98336	-0.0736451	0.965573
XLOC_010365	MYO5B	chr18:47349155-47721451	0.90587	0.860805	-0.073617	0.975209
XLOC_007146	CHST14	chr15:40763159-40765357	23.597	22.424	-0.0735608	0.966442
XLOC_003553	INCENP	chr11:61891444-61920635	8.05138	7.65182	-0.0734328	0.966946
XLOC_017572	FASTKD3	chr5:7859271-7869150	9.45039	8.98184	-0.0733624	0.978981
XLOC_013499	PTPRA,VPS16	chr20:2815960-3019315	31.0755	29.5354	-0.0733338	0.970232
XLOC_023023	HDHD3	chr9:116135697-116138341	31.9521	30.37	-0.0732649	0.966946
XLOC_011680	PRX	chr19:40899670-40919271	1.54337	1.46696	-0.0732547	0.978196
XLOC_018785	FKBPL	chr6:32096483-32098067	6.02602	5.72793	-0.0731936	0.977332
XLOC_002434	FAM21C	chr10:46222647-46288412	6.2492	5.94009	-0.0731863	0.966946
XLOC_006296	PSME1	chr14:24605377-24610797	174.929	166.279	-0.0731644	0.966946
XLOC_003235	EFCAB4A	chr11:827584-831991	6.56879	6.24399	-0.07316	0.977885
XLOC_003583	NUDT22	chr11:63993729-63997488	62.485	59.3956	-0.0731534	0.966946
XLOC_005109	TRAF1D	chr12:112563348-11259140	10.9335	10.3933	-0.0730949	0.967792
XLOC_005528	BAZ2A	chr12:56915608-57030163	10.3837	9.87087	-0.0730673	0.977332
XLOC_002311	ZNF692	chr1:249144202-249153311	21.1006	20.0591	-0.0730238	0.966946
XLOC_017391	KIAA0141	chr5:141303384-141321612	12.4622	11.8472	-0.0730058	0.965598
XLOC_023368	TBC1D25	chrX:48398074-48420997	5.83278	5.54566	-0.0728245	0.970053
XLOC_004772	ETNK1	chr12:22778075-22843608	5.20648	4.95026	-0.0728048	0.986655
XLOC_012382	SLC20A1	chr2:113403433-113421400	9.39861	8.93695	-0.0726649	0.966946
XLOC_002671	WBP1L	chr10:104503726-10457602	6.33838	6.02708	-0.0726556	0.967901
XLOC_001588	JAK1	chr1:65210777-65432187	15.2698	14.5199	-0.0726538	0.970195
XLOC_008082	ZNF267	chr16:31885078-31928629	2.36021	2.24431	-0.0726457	0.974044
XLOC_002148	NUCKS1	chr1:205681946-205719372	17.9752	17.0933	-0.0725783	0.965148
XLOC_009573	SPAG5	chr17:26904582-26926056	18.6243	17.7111	-0.0725366	0.965148
XLOC_002678	NEURL	chr10:105253734-10535230	6.75613	6.42527	-0.0724418	0.972111
XLOC_019013	ASCC3	chr6:100956607-101329224	3.52215	3.34967	-0.0724372	0.967901
XLOC_008096	HEATR3	chr16:50099880-50139375	1.86187	1.77079	-0.0723579	0.979057
XLOC_023827	ZNF674	chrX:46357159-46404892	0.584952	0.556345	-0.0723391	0.979944
XLOC_000632	NBPF9	chr1:144614958-144828810	0.893471	0.849776	-0.0723383	0.979944
XLOC_015913	ITGB5	chr3:124481794-124606144	26.6399	25.3405	-0.0721395	0.965353
XLOC_013351	PECR	chr2:216903110-216946531	3.01703	2.8699	-0.0721255	0.97854
XLOC_011758	EML2	chr19:46112657-46148775	15.1164	14.3799	-0.0720621	0.975409
XLOC_021433	KBTBD11	chr8:1922043-1955109	3.34496	3.18213	-0.0719944	0.972111
XLOC_003606	CAPN1	chr11:64948685-64979477	91.0181	86.5876	-0.0719939	0.965148
XLOC_009941	LINC00673	chr17:70399462-70588943	0.381006	0.362472	-0.0719433	0.987858
XLOC_021665	OSGIN2	chr8:90914095-90940095	9.33391	8.88018	-0.0718938	0.965573
XLOC_016785	COX18	chr4:73920415-73935472	4.24785	4.04138	-0.0718847	0.970346
XLOC_005665	NFYB	chr12:104510857-10453204	5.38425	5.12258	-0.0718736	0.967901
XLOC_007204	EID1	chr15:49115933-49255641	27.8571	26.5034	-0.0718687	0.964603
XLOC_022767	TUSC1	chr9:25676386-25678856	10.7024	10.1823	-0.0718591	0.970195
XLOC_023712	FAM50A	chrX:153672472-153679002	88.3692	84.077	-0.0718324	0.964792
XLOC_003577	NAA40	chr11:63706441-63724446	4.87861	4.64171	-0.0718118	0.972339
XLOC_010367	CCDC11	chr18:47753562-47792865	1.22998	1.17042	-0.0716102	0.981884
XLOC_015608	NKIRAS1	chr3:23933571-23965187	4.13363	3.9336	-0.0715576	0.997036
XLOC_007700	IMP3	chr15:75931425-75932664	131.28	124.933	-0.0714884	0.964792
XLOC_020838	ZNF282	chr7:148892576-148923331	25.0671	23.857	-0.0713794	0.965573
XLOC_012335	CNOT11	chr2:101869344-101886771	23.4013	22.2746	-0.071189	0.965607
XLOC_010603	ZNF439	chr19:11976843-11980306	1.36649	1.30073	-0.0711444	0.979701
XLOC_018028	RIPK1	chr6:3077057-3115421	5.58162	5.31322	-0.0710961	0.970195

XLOC_002206	WDR26	chr1:224572844-22462200	7.65921	7.29094	-0.0710904	0.965148
XLOC_017266	APC	chr5:112043201-112181936	0.946245	0.900758	-0.0710743	0.973348
XLOC_021031	POLR2J4	chr7:43966034-44058748	0.818074	0.77875	-0.0710702	0.988165
XLOC_007820	NME4	chr16:447191-450754	79.0644	75.264	-0.0710676	0.966946
XLOC_023465	TAF1	chrX:70430034-70948962	2.05543	1.95668	-0.0710387	0.996453
XLOC_004662	DYRK4	chr12:4699243-4723041	12.233	11.646	-0.0709439	0.97028
XLOC_023588	SLC25A43	chrX:118533257-11858843	7.60492	7.24011	-0.0709224	0.970346
XLOC_013137	WDR33	chr2:128461807-12856876	11.8495	11.2811	-0.0709209	0.966946
XLOC_003002	BMS1P4	chr10:75458908-75490272	0.294277	0.280168	-0.0708863	1
XLOC_012275	MAT2A	chr2:85766100-85788657	29.062	27.6693	-0.0708479	0.977995
XLOC_008299	C16orf55	chr16:89710838-89736866	8.09914	7.71124	-0.0708049	0.993379
XLOC_012737	ASB1	chr2:239335625-23936089	30.6627	29.1952	-0.0707536	0.966946
XLOC_009033	ERBB2	chr17:37844392-37884915	17.7929	16.9423	-0.070674	0.966566
XLOC_000931	C1orf21	chr1:184356149-18459815	2.6019	2.47757	-0.0706416	0.970195
XLOC_013971	ZHX3	chr20:39807088-39928739	2.05055	1.95264	-0.0705858	0.971649
XLOC_013626	ERGIC3	chr20:34129777-34145405	148.77	141.672	-0.0705256	0.965735
XLOC_007343	FAH	chr15:80445232-80478924	29.4574	28.0536	-0.0704447	0.967612
XLOC_001091	IBA57	chr1:228353428-22836995	1.56654	1.492	-0.0703338	0.975008
XLOC_011959	DNAAF3	chr19:55670028-55678090	27.6774	26.3611	-0.0702979	0.966946
XLOC_020493	ZNF713	chr7:55980330-56008433	0.158757	0.151209	-0.0702714	1
XLOC_018069	CAP2	chr6:17393735-17558023	4.13376	3.93725	-0.0702686	0.974169
XLOC_013310	TRAK2	chr2:202241929-20231631	1.263	1.20299	-0.0702391	0.977103
XLOC_000692	ZNF687	chr1:151254790-15130019	8.02065	7.63969	-0.0702044	0.984917
XLOC_017416	PCYOX1L	chr5:148737569-14874922	4.52116	4.30646	-0.070192	0.976618
XLOC_010275	MYOM1	chr18:3066804-3220106	0.129094	0.122966	-0.0701606	1
XLOC_011384	KANK3	chr19:8387467-8408146	3.29171	3.13547	-0.0701573	0.980559
XLOC_004996	ATXN7L3B	chr12:74931550-74935232	15.901	15.1463	-0.0701522	0.965735
XLOC_017646	EMB	chr5:49692030-49737234	2.05942	1.9617	-0.0701376	0.976618
XLOC_017869	GNPDA1	chr5:141380233-14139262	101.991	97.1526	-0.0701116	0.966946
XLOC_011294	JSRP1	chr19:2252249-2256422	41.4854	39.5193	-0.0700471	0.972601
XLOC_002643	HIF1AN	chr10:102295640-1023136	5.94387	5.66248	-0.0699682	0.966946
XLOC_022333	TESK1	chr9:35605280-35618424	25.1331	23.9437	-0.0699434	0.968294
XLOC_023985	TCEAL6	chrX:101394932-10139738	0.0101863	0.00970451	-0.0699032	1
XLOC_016760	CENPC1	chr4:68337988-68411256	2.028	1.93212	-0.0698716	0.977332
XLOC_012797	NBAS	chr2:15307031-15701472	7.24302	6.90065	-0.0698585	0.966946
XLOC_014644	PPP6R2	chr22:50781745-50913464	13.2882	12.6603	-0.0698311	0.980556
XLOC_010763	LSM14A	chr19:34663351-34720420	26.5406	25.2867	-0.0698205	0.965515
XLOC_016530	ARHGAP10	chr4:148653452-14899392	4.6872	4.46583	-0.0697977	0.973076
XLOC_023394	CLCN5	chrX:49687224-49683892	0.712697	0.679065	-0.0697394	0.979316
XLOC_013541	CSRP2BP,PET117	chr20:18118498-18169031	18.4868	17.615	-0.0696897	0.976214
XLOC_016060	EIF5A2	chr3:170606203-17062642	1.34512	1.28174	-0.069628	0.976326
XLOC_018098	HIST1H1E	chr6:26156558-26157343	3.04593	2.90244	-0.0696179	0.987423
XLOC_012176	MSH6	chr2:48010220-48132932	6.86343	6.54033	-0.0695676	0.984387
XLOC_012791	ROCK2	chr2:11321777-11484711	1.1049	1.0529	-0.0695432	0.977103
XLOC_023165	SNAPC4	chr9:139270028-13929288	12.6985	12.1013	-0.0694914	0.969877
XLOC_011538	FKBP8	chr19:18642567-18654383	282.101	268.838	-0.0694738	0.966946
XLOC_017795	P4HA2	chr5:131528303-13156355	33.5492	31.9723	-0.0694545	0.969075
XLOC_001877	PBXIP1	chr1:154916558-15492856	8.65177	8.24607	-0.0692875	0.972111
XLOC_010122	CHMP1B	chr18:11689013-11908796	17.7317	16.9007	-0.0692482	0.979701
XLOC_006636	RCOR1	chr14:103058995-1031969	5.12627	4.88652	-0.0691013	0.968306
XLOC_011728	IRGQ	chr19:44088518-44100287	2.28186	2.17521	-0.0690556	0.972053
XLOC_000326	ERMAP	chr1:43272722-43310660	2.01044	1.9166	-0.0689638	0.984917
XLOC_010954	IGFL2	chr19:46651038-46664561	0.0371597	0.0354263	-0.0689186	1
XLOC_008069	BCKDK	chr16:31119614-31124112	125.865	119.997	-0.0688813	0.967289
XLOC_008213	FUK	chr16:70488497-70514177	4.54592	4.3341	-0.0688407	0.976149
XLOC_017502	HIGD2A	chr5:175815783-17581675	261.479	249.298	-0.0688257	0.967799
XLOC_022889	NMRK1	chr9:77676115-77703133	8.5184	8.12234	-0.0686871	0.976595
XLOC_018304	PPP2R5D	chr6:42952236-42981618	22.064	21.0396	-0.0685834	0.986822
XLOC_006824	ATG14	chr14:55833108-55878576	3.01078	2.87118	-0.0684905	0.974997
XLOC_004157	PHF21A	chr11:45950869-46142985	3.3509	3.19571	-0.0684106	0.970681
XLOC_004257	FTH1	chr11:61717355-61735132	599.833	572.058	-0.0683994	0.968521
XLOC_011647	CAPN12	chr19:39138266-39235114	15.1468	14.4457	-0.0683784	0.99038
XLOC_017846	PROB1	chr5:138727634-13873088	0.513267	0.48951	-0.068371	0.990324
XLOC_018963	TMEM30A	chr6:75962637-75994632	13.0523	12.4485	-0.0683418	0.966946
XLOC_016438	RAP1GDS1	chr4:99182526-99365012	10.4077	9.92631	-0.0683229	0.967901
XLOC_011543	HOMER3	chr19:19040009-19052041	85.1055	81.171	-0.0682892	0.967289
XLOC_009283	KIAA0195	chr17:73452663-73511627	11.495	10.9642	-0.068209	0.976198
XLOC_001391	EYA3	chr1:28296854-28415148	4.33088	4.1309	-0.0682041	0.971086
XLOC_004880	HOXC10	chr12:54378945-54384062	8.35968	7.97386	-0.0681702	0.976618
XLOC_007225	TCF12	chr15:57210832-57580714	7.97666	7.60881	-0.0681141	0.97028
XLOC_007484	AVEN	chr15:34158427-34357287	6.04452	5.76579	-0.0681093	0.977696
XLOC_012842	EIF2B4	chr2:27587218-27593324	30.7574	29.3421	-0.0679642	0.970232
XLOC_002264	LGALS8-AS1	chr1:236681513-23676784	0.443569	0.423158	-0.0679605	0.997036
XLOC_023435	UBQLN2	chrX:56590025-56593443	10.3734	9.89669	-0.067865	0.970195
XLOC_008887	MED9	chr17:17380299-17396534	9.35358	8.92381	-0.0678588	0.974192
XLOC_001441	KIAA0319L	chr1:35899090-36023037	8.12503	7.7519	-0.0678239	0.969075
XLOC_012327	C2orf15	chr2:99613723-99771187	1.69811	1.62016	-0.0677971	0.985607
XLOC_018216	STK19	chr6:31937587-31949223	5.50266	5.25013	-0.0677776	0.987693
XLOC_023916	PDZD11	chrX:69506210-69509798	20.8	19.8455	-0.0677737	0.971865

XLOC_000279	TFAP2E	chr1:36038970-36060927	3.47739	3.31783	-0.0677678	0.980556
XLOC_007619	LOC100130855	chr15:63796709-63894620	0.40699	0.388344	-0.0676581	0.976214
XLOC_001100	COG2	chr1:230778201-23082973	6.60054	6.29833	-0.0676134	0.972601
XLOC_016957	PRMT10	chr4:148559533-14860528	2.25586	2.15259	-0.067601	0.978196
XLOC_015375	RNF7	chr3:141457050-14146564	55.4141	52.8799	-0.067533	0.967282
XLOC_019127	EPMA2A	chr6:145946439-14628523	0.377225	0.359992	-0.0674607	0.995343
XLOC_009444	MIR497HG	chr17:6915735-6922973	1.33864	1.27757	-0.0673662	0.997036
XLOC_015015	CTDSPL	chr3:37903668-38025960	7.03665	6.71565	-0.0673621	0.969963
XLOC_004506	MSANTD4	chr11:105878628-1058929	3.66301	3.49598	-0.0673315	0.974044
XLOC_006861	PLEK2	chr14:67853699-67878828	44.9813	42.9315	-0.0672914	0.968521
XLOC_010641	ZNF333	chr19:14800869-14831772	0.912067	0.870512	-0.0672763	0.981044
XLOC_005729	VSIG10	chr12:118501397-1185418	4.09757	3.91109	-0.0672013	0.971965
XLOC_021416	C7orf13	chr7:156431059-15643334	1.10371	1.05349	-0.0671882	0.986656
XLOC_0011278	ADAMTSL5	chr19:1505016-1513188	4.76363	4.54698	-0.0671541	0.979291
XLOC_000373	LOC729041	chr1:46899498-46911374	1.97384	1.8841	-0.0671316	0.985283
XLOC_005685	ALKBH2	chr12:109525992-1095312	33.5712	32.0457	-0.0670939	0.972064
XLOC_000554	FND07	chr1:109255555-10928536	0.00470288	0.00448943	-0.0670118	1
XLOC_000401	CPT2	chr1:53662100-53686289	9.54062	9.10774	-0.0669895	0.981506
XLOC_015039	ZNF620	chr3:40547529-40559712	0.724256	0.691418	-0.0669406	0.985802
XLOC_013607	CBFA2T2	chr20:32077927-32237837	2.27053	2.16759	-0.0669323	0.974631
XLOC_010806	SDHAF1	chr19:36486089-36487220	34.3977	32.8407	-0.0668286	0.97314
XLOC_013802	C20orf96	chr20:251503-271419	8.4513	8.06921	-0.0667461	0.976618
XLOC_003807	C11orf93	chr11:111164113-1111794	0.942572	0.899988	-0.0666965	0.990857
XLOC_000935	PRG4	chr1:185703682-18644665	0.0466519	0.0445446	-0.0666853	1
XLOC_016416	AFF1	chr4:87856153-88062206	2.11354	2.01808	-0.0666787	0.974169
XLOC_003906	HYLS1	chr11:125753508-1257731	3.99173	3.81149	-0.0666597	0.987858
XLOC_007496	AQR	chr15:35148551-35261995	4.1322	3.94573	-0.0666189	0.973792
XLOC_016465	RRH	chr4:110749149-11076586	0.109402	0.104466	-0.0666114	1
XLOC_010051	STRA13	chr17:79976578-79980785	85.8815	82.0072	-0.0665966	0.967901
XLOC_009949	MGC16275	chr17:72206134-72209460	2.40128	2.293	-0.066565	0.979701
XLOC_021646	ZC2HC1A	chr8:79578281-79631997	1.7333	1.65516	-0.0665439	0.979701
XLOC_009180	STXBP4	chr17:53046125-53241449	0.256323	0.244789	-0.0664241	1
XLOC_000513	CCDC18	chr1:93646280-93744287	0.367433	0.350916	-0.0663532	0.985921
XLOC_005140	RNF10	chr12:120972131-1210153	30.5777	29.2047	-0.066279	0.969963
XLOC_007516	DNAJC17	chr15:41060066-41106767	16.1019	15.3793	-0.0662384	0.988166
XLOC_009411	ZZEF1	chr17:3907738-4046253	1.9113	1.82557	-0.0662072	0.974044
XLOC_016739	SGCB	chr4:52886860-52904485	3.70599	3.53977	-0.066205	0.974044
XLOC_012841	GTF3C2	chr2:27548715-27579901	12.633	12.0664	-0.0662011	0.970346
XLOC_014486	TTC28-AS1	chr22:28315363-29075853	14.1125	13.48	-0.0661595	0.979701
XLOC_007887	LOC652276	chr16:2653384-2680495	3.09073	2.95227	-0.0661192	0.979701
XLOC_005155	MLXIP	chr12:122516651-1226289	5.41414	5.17171	-0.0660917	0.974169
XLOC_006153	DACH1	chr13:72012097-72441330	0.296188	0.282935	-0.066041	1
XLOC_009137	TBKBP1	chr17:45772629-45789429	6.30137	6.0197	-0.0659757	0.974762
XLOC_009978	TRIM65	chr17:73885040-73893084	15.2848	14.6023	-0.0659052	0.970195
XLOC_008164	CES2	chr16:66968346-66978994	8.44392	8.06727	-0.065833	0.972228
XLOC_017141	GPBP1	chr5:56469774-56560506	13.9161	13.296	-0.0657639	0.969963
XLOC_022910	ZCCHC6	chr9:88902647-88969402	2.78811	2.66391	-0.0657419	0.974169
XLOC_006526	HHIPL1	chr14:100111479-1001430	0.00853903	0.00815909	-0.0656642	1
XLOC_014174	WRB	chr21:40752212-40769815	16.9787	16.2243	-0.065574	0.972601
XLOC_008631	CENPT	chr16:67862059-67905219	17.8048	17.014	-0.0655482	0.991767
XLOC_000046	DFFB	chr1:3773844-3801993	3.98529	3.8084	-0.0655009	0.977332
XLOC_019172	AGPAT4	chr6:161551056-16169510	0.510483	0.487834	-0.0654724	0.981044
XLOC_008304	TCF25	chr16:89939993-8997792	91.0402	87.0051	-0.065405	0.969963
XLOC_010546	MAP2K7	chr19:7968764-7979363	22.1697	21.1884	-0.0653145	0.970207
XLOC_002001	MPC2	chr1:167885912-16804508	16.1786	15.4625	-0.065312	0.979701
XLOC_023408	MAGED1	chrX:51546154-51645450	22.1891	21.208	-0.0652447	0.969963
XLOC_021499	BMP1	chr8:22022652-22069840	8.18415	7.82245	-0.0652114	0.976595
XLOC_001084	SNAP47	chr1:227916239-22796893	19.0369	18.1959	-0.0651826	0.984917
XLOC_013522	CRLS1	chr20:5986738-6020697	17.1372	16.3806	-0.0651414	0.967901
XLOC_011369	LOC100128573	chr19:7537722-7538247	0.0477363	0.0456299	-0.0651083	1
XLOC_005783	SLC15A4	chr12:129277738-1293085	9.54918	9.12862	-0.0649796	0.974044
XLOC_002894	ZNF239	chr10:44051792-44070066	2.22451	2.12655	-0.0649718	0.981044
XLOC_001297	ARHGEF19	chr1:16524598-16539104	8.97397	8.57951	-0.0648522	0.976595
XLOC_000264	S100BPB	chr1:33240839-33324480	3.61999	3.46088	-0.0648453	0.994615
XLOC_021126	STYXL1	chr7:75625654-75677321	16.0249	15.3211	-0.0647976	0.973683
XLOC_009258	COG1	chr17:71189172-71228533	7.98071	7.63058	-0.0647255	0.986919
XLOC_018778	ZBTB12	chr6:31865561-31913449	5.08947	4.86642	-0.064657	0.979875
XLOC_006730	EMC9	chr14:24605377-24610797	39.6796	37.9474	-0.0643984	0.992353
XLOC_022884	ZFAND5	chr9:74966340-74980163	13.3663	12.7828	-0.0643884	0.972111
XLOC_008888	RAI1	chr17:17584786-17740325	4.29578	4.10848	-0.0643154	0.989411
XLOC_020452	LOC646999	chr7:39649085-39651687	0.049822	0.0476509	-0.0642789	1
XLOC_013898	ACSS1	chr20:24986865-25038818	1.1846	1.13299	-0.0642575	0.982497
XLOC_012320	COX5B	chr2:98262520-98264657	504.553	482.58	-0.0642366	0.97028
XLOC_007150	GCHFR	chr15:41056284-41059911	77.8524	74.4647	-0.0641861	0.973348
XLOC_010705	KLHL26	chr19:18747837-18781302	5.69152	5.44389	-0.0641768	0.978981
XLOC_001765	POLR3GL	chr1:145456235-14547038	25.765	24.6447	-0.0641361	0.974044
XLOC_010273	LPIN2	chr18:2916991-3011945	4.23486	4.05079	-0.06411	0.974044
XLOC_006288	DHRS4	chr14:24407939-24438488	15.2976	14.6327	-0.0641083	0.980533
XLOC_005387	ZCRB1	chr12:42705887-42719932	22.6388	21.6551	-0.0640881	0.972111

XLOC_000828	SDHC	chr1:161284165-16133767:	36.9598	35.354	-0.0640818	0.971485
XLOC_001628	MCOLN3	chr1:85483764-85514223	4.87314	4.66143	-0.0640785	0.976756
XLOC_008874	PIGL	chr17:16120508-16229573	5.52844	5.28848	-0.0640192	0.980177
XLOC_022402	VPS13A	chr9:79791671-80032399	1.2728	1.21758	-0.0639839	0.977103
XLOC_000506	KIAA1107	chr1:92632608-92650280	0.272917	0.261081	-0.0639633	1
XLOC_015283	GTF2E1	chr3:120461557-120501911	4.14812	3.96843	-0.0638871	0.977332
XLOC_000682	SETDB1	chr1:150898814-150937221	4.32931	4.14179	-0.0638839	0.979701
XLOC_021328	C7orf49	chr7:134832765-134855571	23.6608	22.6375	-0.0637876	0.976149
XLOC_016151	DLG1	chr3:196769430-197030627	3.39184	3.24524	-0.0637427	0.975734
XLOC_021346	PARP12	chr7:139723548-139763527	7.07102	6.76563	-0.0636953	0.976122
XLOC_017626	PRKAA1	chr5:40759480-40798297	5.00593	4.78976	-0.0636838	0.974169
XLOC_003056	PIPSL	chr10:95717896-95721672	0.00412811	0.00394985	-0.0636827	1
XLOC_022428	SECISBP2	chr9:91933411-91974561	7.8747	7.53507	-0.0636054	0.976198
XLOC_008634	LCAT_SLC12A4	chr16:67973786-68002597	24.8005	23.7315	-0.0635633	0.978981
XLOC_004875	TARBP2	chr12:53894704-53900215	24.3392	23.2904	-0.0635451	0.976595
XLOC_011692	B3GNT8	chr19:41931263-41934635	0.0162607	0.0155604	-0.0635052	1
XLOC_008721	MVD	chr16:88718347-88729495	34.2366	32.7623	-0.0635042	0.972989
XLOC_017779	DTWD2	chr5:118172568-118324241	0.445662	0.426489	-0.0634424	0.985325
XLOC_005095	IFT81	chr12:110562139-11065661	0.981553	0.939334	-0.0634285	0.984917
XLOC_020405	SNX10	chr7:26331514-26413949	10.2683	9.82727	-0.0633289	0.974044
XLOC_000695	TUFT1	chr1:151512780-151556055	15.8414	15.1615	-0.0632842	0.974044
XLOC_020595	STEAP2	chr7:89840999-89866992	2.57652	2.46597	-0.0632701	0.98038
XLOC_011415	FDX1L	chr19:10420890-10426691	30.861	29.5375	-0.0632352	0.977095
XLOC_004866	ZNF740	chr12:53551446-53584654	6.88003	6.58505	-0.0632206	0.974762
XLOC_015093	ZNF589	chr3:48282595-48312479	4.6281	4.42969	-0.0632158	0.977103
XLOC_007612	NARG2	chr15:60711807-60771359	2.20176	2.10737	-0.063215	0.976756
XLOC_007769	POLG	chr15:89787193-89878026	15.3197	14.6635	-0.0631617	0.981044
XLOC_016458	HADH	chr4:108910869-108956337	42.9055	41.0691	-0.0631097	0.971485
XLOC_010936	CLASRP	chr19:45542297-45574214	18.9379	18.1278	-0.0630765	0.976214
XLOC_002663	NFKB2	chr10:104153866-10416221	39.5296	37.8387	-0.0630678	0.972111
XLOC_020654	MOSPD3	chr7:100293100-100213001	51.0351	48.8554	-0.062971	0.974044
XLOC_004348	RBM4B	chr11:66384052-66445275	9.71901	9.30408	-0.0629465	0.99351
XLOC_002997	PPP3CB	chr10:75196562-75255782	8.47847	8.11672	-0.0629075	0.974029
XLOC_002120	CYB5R1	chr1:202931000-202936404	28.3589	27.1493	-0.0628844	0.972601
XLOC_007187	TRIM69	chr15:45028559-45060025	0.142219	0.136156	-0.0628521	1
XLOC_002413	LINC00839	chr10:42970938-42990785	0.00716589	0.00686042	-0.0628494	1
XLOC_004175	KBTBD4	chr11:47586981-47606115	7.70543	7.37696	-0.062849	0.993379
XLOC_005544	R3HDM2	chr12:57647547-57704246	7.62823	7.30327	-0.0628039	0.974169
XLOC_015575	VGLL4	chr3:11314009-11762220	9.91787	9.49582	-0.0627383	0.981405
XLOC_014328	BRWD1	chr21:40557403-40685712	1.34058	1.28356	-0.0627123	0.98972
XLOC_002054	ABL2	chr1:179068461-179198811	16.9672	16.2459	-0.0626756	0.974044
XLOC_016839	HSD17B11	chr4:88257690-88312455	35.4825	33.9752	-0.0626244	0.972601
XLOC_014890	PKDREJ	chr22:46651559-46659219	0.0133046	0.0127397	-0.0625954	1
XLOC_002209	ENAH	chr1:225674533-225840841	3.6899	3.53348	-0.0624915	0.972989
XLOC_006769	RALGAPA1	chr14:36007557-36278432	1.18065	1.13062	-0.06247	0.978196
XLOC_018117	ABT1	chr6:26597170-26600277	23.8728	22.8618	-0.062429	0.972601
XLOC_024061	THOC2	chrX:122734411-122866909	3.38897	3.24558	-0.0623724	0.974044
XLOC_023350	CDK16	chrX:47077527-47089394	47.3174	45.3164	-0.0623366	0.971877
XLOC_002482	SIRT1	chr10:69644426-69678147	4.14748	3.97256	-0.0621672	0.976618
XLOC_006294	DCAF11	chr14:24583905-24594451	17.7334	16.9858	-0.0621394	0.974142
XLOC_002234	ABCB10	chr1:229652328-229694444	2.94499	2.821	-0.0620527	0.979046
XLOC_017580	DAP	chr5:10679341-10761387	36.3426	34.8126	-0.0620526	0.973348
XLOC_024193	UBL4A	chrX:153712055-153714933	25.0397	23.9863	-0.0620018	0.972601
XLOC_006047	CDX2	chr13:28536204-28543505	12.7099	12.1768	-0.0618195	0.977103
XLOC_007947	MKL2	chr16:14165195-14360630	0.952704	0.912829	-0.0616837	0.979701
XLOC_017970	UIMC1	chr5:176332005-176433791	11.3517	10.8767	-0.0616668	0.974044
XLOC_020577	PTPN12	chr7:77166772-77269388	8.55613	8.19849	-0.0616003	0.975414
XLOC_012988	DCTN1	chr2:74588280-74621008	31.3301	30.0223	-0.0615121	0.973088
XLOC_010905	ZNF576	chr19:44100543-44104587	5.93476	5.68714	-0.0614859	0.979701
XLOC_022551	NEK6	chr9:127019884-127114711	30.3502	29.0843	-0.0614681	0.974044
XLOC_016082	MCF2L2	chr3:182895830-183145851	0.132389	0.126866	-0.061467	1
XLOC_022593	PKN3	chr9:131464801-131486401	82.236	78.8061	-0.061463	0.978981
XLOC_008446	GDE1	chr16:19513014-19533450	24.5814	23.5563	-0.0614543	0.972228
XLOC_013916	BCL2L1	chr20:30252260-30310656	116.912	112.037	-0.0614476	0.974044
XLOC_009073	MLX	chr17:40719077-40729849	28.2732	27.0947	-0.0614246	0.979701
XLOC_006950	IFI27L2	chr14:94594117-94595957	207.888	199.241	-0.0612874	0.974044
XLOC_009026	LOC100131347	chr17:37213271-37307902	0.0667902	0.0640131	-0.0612682	1
XLOC_009517	TRIM16	chr17:15531279-15586193	3.92526	3.76206	-0.0612669	0.979484
XLOC_001838	LCE1C	chr1:152777310-152779107	0.131774	0.126304	-0.0611626	1
XLOC_005127	PEBP1	chr12:118573869-11858331	178.109	170.725	-0.0610853	0.974044
XLOC_006767	PPP2R3C	chr14:35554677-35591519	18.488	17.7218	-0.0610654	0.974169
XLOC_002651	KAZALD1	chr10:102820998-10282531	3.50241	3.35739	-0.0610094	0.981884
XLOC_021033	PGAM2	chr7:44102325-44105186	1.15059	1.10298	-0.0609774	0.991767
XLOC_002476	ADO	chr10:64564515-64568239	7.40716	7.10087	-0.0609236	0.976618
XLOC_022686	SSNA1	chr9:140069235-140084822	200.785	192.492	-0.0608486	0.979701
XLOC_018522	FLJ46906	chr6:139012804-139018421	5.22683	5.0112	-0.0607815	0.983952
XLOC_008935	SARM1	chr17:26698986-26733230	0.645153	0.618543	-0.0607694	0.99351
XLOC_012694	C2orf72	chr2:231902280-231914427	6.45877	6.19237	-0.0607661	0.977103
XLOC_002420	ZNF485	chr10:44101854-44113352	3.02175	2.89721	-0.0607208	0.980129

XLOC_022351	GRHPR	chr9:37422706-37436986	115.742	110.978	-0.0606393	0.974044
XLOC_016001	COMMD2	chr3:149456256-149470284	3.98108	3.81765	-0.0604756	0.97749
XLOC_005202	FBRSL1	chr12:133067156-13316177	18.992	18.2148	-0.0602836	0.974585
XLOC_020988	CPVL	chr7:29019582-29186153	13.5937	13.0376	-0.060261	0.977103
XLOC_012936	LOC100132215	chr2:62900985-63275656	0.123541	0.118489	-0.060233	1
XLOC_010848	MED29	chr19:39881962-39891203	9.58197	9.19038	-0.0601987	0.977103
XLOC_024009	TSC22D3	chrX:106956451-10701901	12.8597	12.3345	-0.0601608	0.979701
XLOC_003820	TEX12	chr11:112038094-11204327	0.0729213	0.0699466	-0.0600872	1
XLOC_002291	ZNF496	chr1:247463621-247495045	7.28204	6.98503	-0.0600768	0.979701
XLOC_007534	ZFP106	chr15:42705020-42749730	3.60254	3.45567	-0.0600488	0.974494
XLOC_023124	SETX	chr9:135136826-135230372	4.25501	4.08159	-0.0600321	0.974489
XLOC_014829	DNAL4	chr22:39174512-39190161	9.62091	9.22947	-0.0599251	0.979701
XLOC_018160	HLA-H	chr6:29855382-29858856	13.703	13.1455	-0.0599226	0.978555
XLOC_012890	ZFP36L2	chr2:43449540-43453745	7.45599	7.15272	-0.059909	0.977995
XLOC_008758	PAFAH1B1	chr17:2496922-2588909	13.699	13.1418	-0.0599071	0.973585
XLOC_021735	WDYHV1	chr8:124428964-124454261	12.1067	11.6147	-0.0598469	0.979388
XLOC_014004	ZNF335	chr20:44577291-44600833	6.24566	5.99207	-0.0598008	0.97814
XLOC_003602	ZFPL1	chr11:64851693-64856542	42.1664	40.4548	-0.0597838	0.976002
XLOC_005909	CKAP2	chr13:53029494-53050763	14.3322	13.7506	-0.0597658	0.974044
XLOC_008194	ZFP90	chr16:68573660-68601039	2.85791	2.74203	-0.05972	0.979291
XLOC_008360	BRICD5	chr16:2255177-2261069	4.43048	4.25093	-0.0596843	0.997036
XLOC_022967	TSTD2	chr9:100263461-100436025	5.11843	4.91115	-0.0596392	0.990795
XLOC_005192	LOC116437	chr12:131649555-13169747	0.00659037	0.00632358	-0.0596167	1
XLOC_010297	ZNF519	chr18:14075988-14132489	0.399762	0.38358	-0.0596151	0.987693
XLOC_020584	GNAI1	chr7:79764139-79848725	3.81822	3.66381	-0.0595549	0.978981
XLOC_002881	PARD3	chr10:34398487-35104253	19.382	18.5988	-0.0595128	0.976595
XLOC_012463	MBD5	chr2:148602569-14927104	0.186221	0.178709	-0.0594085	1
XLOC_020512	ZNF273	chr7:64363619-64391955	1.044	1.0019	-0.0593892	0.981044
XLOC_005164	ARL6IP4	chr12:123464879-12346744	204.878	196.617	-0.059375	0.976326
XLOC_009347	ASPCR1	chr17:79935425-79975282	22.8615	21.9421	-0.059222	0.978703
XLOC_003198	FLJ46300	chr10:133604733-13362253	0.00548062	0.00526025	-0.059208	1
XLOC_009754	BECN1	chr17:40950853-40976310	20.3595	19.5416	-0.0591547	0.976149
XLOC_006833	FLJ31306	chr14:58711522-58764855	11.6559	11.1882	-0.0590908	0.987693
XLOC_022608	USP20	chr9:132597695-132644117	12.8515	12.3364	-0.0590156	0.976214
XLOC_023489	ATP7A	chrX:77166193-77305892	0.516064	0.495383	-0.0590072	0.982813
XLOC_001966	F11R	chr1:160965000-160991133	5.79101	5.59965	-0.0588196	0.976618
XLOC_004775	LYRM5	chr12:25348149-25357949	7.21594	6.92771	-0.058808	0.979875
XLOC_002254	SNORA14B	chr1:235272657-235292256	2.27495	2.18411	-0.0587889	1
XLOC_016154	LOC220729	chr3:197340897-197354752	1.37556	1.32065	-0.0587787	0.986822
XLOC_011500	AKAP8L	chr19:15490858-15529833	28.5834	27.4429	-0.0587458	0.976595
XLOC_008042	TAOK2	chr16:29985187-30003582	11.1349	10.6907	-0.058737	0.976326
XLOC_023854	PRICKLE3	chrX:49031905-49042776	14.892	14.2981	-0.0587128	0.979452
XLOC_015567	CIDECP	chr3:10059236-10067820	5.2311	5.02249	-0.0587113	0.986822
XLOC_004829	SPATS2	chr12:49760687-49921207	9.52841	9.14872	-0.0586649	0.977103
XLOC_006457	FLVCR2	chr14:76044939-76114512	1.07746	1.03455	-0.0586321	0.985921
XLOC_018827	C6orf106	chr6:34555065-34664625	16.6671	16.0039	-0.0585835	0.976214
XLOC_007861	SNHG9	chr16:2014996-2015505	58.3913	56.0683	-0.0585683	0.986353
XLOC_000005	LOC643837	chr1:762970-794826	2.23397	2.14511	-0.0585558	0.979701
XLOC_005847	PDS5B	chr13:33160563-33352158	2.03424	1.95333	-0.0585499	0.978196
XLOC_022569	SLC2A8	chr9:130159416-130170171	28.7589	27.6155	-0.0585294	0.977103
XLOC_014870	PAC3IN2	chr22:43265771-43411184	16.317	15.669	-0.0584612	0.976618
XLOC_016033	SHOX2	chr3:157813799-157823952	0.141988	0.136361	-0.0583387	1
XLOC_003589	KCNK4	chr11:64058792-64067503	0.019827	0.0190417	-0.0583025	1
XLOC_007915	CLUAP1	chr16:3550944-3627392	3.02456	2.90481	-0.0582809	0.979701
XLOC_014309	ATP5O	chr21:35275756-35288158	334	320.787	-0.0582359	0.976618
XLOC_021811	C8orf33	chr8:146277823-146281411	36.0219	34.5969	-0.0582322	0.974044
XLOC_003302	ILK	chr11:6624963-6633475	77.5096	74.4449	-0.0582009	0.979701
XLOC_000946	CDC73	chr1:193091087-193223942	5.02202	4.8236	-0.0581563	0.976214
XLOC_022688	C9orf169	chr9:140119643-140120763	2.92718	2.81154	-0.0581503	0.98972
XLOC_009553	AKAP10	chr17:19807764-19881169	3.96086	3.80511	-0.0578786	0.978196
XLOC_007928	NAGPA-AS1	chr16:5074844-5092972	0.0149942	0.0144045	-0.057829	1
XLOC_017166	RAD17	chr5:68647552-68710630	7.84752	7.53943	-0.0577807	0.991767
XLOC_018807	COL11A2	chr6:33130468-33160245	0.22367	0.214889	-0.0577774	1
XLOC_018051	TMEM14B	chr6:10747994-10757214	86.9943	83.5806	-0.057752	0.977103
XLOC_012325	INPP4A	chr2:99061320-99207496	2.321	2.22995	-0.0577374	0.979701
XLOC_007376	ZNF592	chr15:85291817-85349663	3.33149	3.20093	-0.0576766	0.977652
XLOC_009369	ABR	chr17:906757-1090616	19.4117	18.6514	-0.0576483	0.976618
XLOC_021105	TBL2	chr7:72983276-72993013	19.172	18.4226	-0.0575207	0.976214
XLOC_005698	PPTC7	chr12:110972236-11102101	1.17775	1.13183	-0.057373	0.984917
XLOC_012440	LOC150776	chr2:132202795-132360461	9.04851	8.69609	-0.0573143	0.991767
XLOC_017126	ITGA1,PELO	chr5:52083773-52249485	16.4392	15.7999	-0.0572182	0.977103
XLOC_022337	CREB3	chr9:35697333-35749225	32.0483	30.8039	-0.0571383	0.990857
XLOC_007722	CTSH	chr15:79214091-79237420	20.4255	19.6327	-0.0571188	0.978981
XLOC_005767	PITPNM2	chr12:123468026-12359492	2.73511	2.62896	-0.0571054	0.979701
XLOC_012231	ANKRD53	chr2:71205574-71212629	0.0368943	0.0354648	-0.0570109	1
XLOC_005740	TRIAP1	chr12:120881763-12088427	22.6958	21.8164	-0.0570104	0.978703
XLOC_005550	CDK4	chr12:58138783-58146230	210.282	202.147	-0.05692	0.977103
XLOC_022270	RCL1	chr9:4792833-4861064	11.8488	11.3906	-0.0568983	0.978981
XLOC_004340	RIN1	chr11:66099541-66104000	50.8168	48.8542	-0.0568245	0.976618

XLOC_014588	ACO2	chr22:41865128-41940479	23.459	22.553	-0.0568231	0.986832
XLOC_022458	ERCC6L2	chr9:98568369-98731122	0.387498	0.372539	-0.0567954	0.992797
XLOC_001486	CITED4	chr1:41326727-41328018	103.172	99.1908	-0.0567733	0.97749
XLOC_007799	LINS	chr15:101109427-10114244	1.86586	1.79387	-0.056767	0.984692
XLOC_005704	BRAP	chr12:112079949-11212375	5.1399	4.9419	-0.0566724	0.979484
XLOC_022901	KIF27	chr9:86451614-86536380	0.312149	0.300127	-0.0566632	1
XLOC_021260	LAMB1	chr7:107564245-107643804	15.5778	14.9786	-0.0565952	0.976618
XLOC_014760	TBC1D10A	chr22:30687978-30722955	14.1849	13.6393	-0.0565914	0.979701
XLOC_004395	ARAP1	chr11:72396113-72463434	14.4011	13.8474	-0.0565561	0.977103
XLOC_008101	CYLD	chr16:50775960-50835846	1.93636	1.86193	-0.0565523	0.978555
XLOC_009190	DYNLL2	chr17:56160779-56167618	23.1338	22.2453	-0.056498	0.978196
XLOC_005432	LMBR1L	chr12:49490922-49504680	12.5069	12.0267	-0.0564778	0.97915
XLOC_000981	TMEM183A	chr1:202976533-202993197	36.368	34.9719	-0.0564729	0.977103
XLOC_003387	PRRG4	chr11:32851480-32879669	2.47572	2.38071	-0.0564568	0.979701
XLOC_013756	LSM14B	chr20:60697516-60710434	22.3854	21.5266	-0.0564393	0.977332
XLOC_016809	CNOT6L	chr4:78634540-78740544	2.60989	2.50991	-0.0563504	0.978196
XLOC_005222	DCP1B	chr12:2055213-2113677	9.35498	8.99672	-0.0563357	0.979701
XLOC_004446	PICALM	chr11:85668213-85780923	23.7188	22.8108	-0.0563161	0.977103
XLOC_017551	SLC12A7	chr5:1050488-1112172	12.9493	12.4539	-0.0562733	0.976618
XLOC_004486	TMEM123	chr11:102267055-10232377	44.2491	42.5575	-0.0562326	0.977103
XLOC_011581	C19orf12	chr19:30189792-30206696	4.87731	4.69094	-0.0562064	0.978945
XLOC_007233	CCNB2	chr15:59397283-59417244	46.8441	45.0543	-0.0562023	0.977261
XLOC_022029	ARFGEF1	chr8:68109883-68255912	3.9839	3.83172	-0.0561878	0.977652
XLOC_023042	PSMD5	chr9:123578331-123605295	18.1418	17.4491	-0.0561648	0.977103
XLOC_005663	C12orf3	chr12:104343980-10435095	3.28047	3.15521	-0.0561637	0.98468
XLOC_005085	USP30	chr12:109489845-10952583	2.56468	2.46679	-0.0561449	0.979733
XLOC_014945	TATDN2	chr3:10290176-10335133	8.26505	7.95	-0.056069	0.978196
XLOC_007281	THSD4	chr15:71433787-72075722	0.11979	0.115231	-0.0559819	1
XLOC_023156	CAMSAP1	chr9:138700332-138799005	8.07372	7.76708	-0.0558614	0.977103
XLOC_023478	CHIC1	chrX:72782983-72906937	1.04166	1.00212	-0.0558314	0.980401
XLOC_017717	CRSP8P	chr5:79646423-79647785	0.0133249	0.0128192	-0.0558183	1
XLOC_011417	ICAM3	chr19:10444451-10450345	9.40037	9.04391	-0.0557708	0.980177
XLOC_019109	PERP	chr6:138409641-138428660	32.1162	30.8986	-0.0557591	0.976756
XLOC_007420	MCTP2	chr15:94841429-95027181	0.735484	0.707609	-0.0557402	0.986822
XLOC_023881	HUWE1	chrX:53559056-53713697	7.18404	6.91181	-0.0557316	0.976618
XLOC_010906	SRRM5	chr19:44111375-44124014	0.556012	0.534961	-0.055683	0.995302
XLOC_008724	PIEZO1	chr16:88772890-88851372	18.5047	17.8046	-0.0556416	0.979701
XLOC_000301	PPIE	chr1:40204516-40254533	44.0833	42.4156	-0.0556375	0.981763
XLOC_013054	SEMA4C	chr2:97525472-9753735	13.0131	12.5209	-0.0556255	0.977531
XLOC_012364	RANBP2	chr2:109335936-109402267	3.9179	3.76975	-0.055611	0.977283
XLOC_004248	CYBASC3	chr11:61066918-61136975	8.72725	8.3973	-0.0556009	0.996079
XLOC_009065	CNP	chr17:40118758-40190044	20.6853	19.904	-0.0555497	0.985921
XLOC_011460	HOOK2	chr19:12873816-12886434	9.60932	9.24713	-0.0554287	0.979701
XLOC_013525	PLCB4	chr20:9049700-9461462	0.61353	0.590418	-0.0553974	0.98655
XLOC_013036	LOC654342	chr2:91824708-91847975	12.4067	11.9393	-0.0553946	0.984917
XLOC_020974	HOXA1	chr7:27132613-27135625	1.75511	1.689	-0.0553914	0.986822
XLOC_015557	SRGAP3	chr3:9022275-9291369	0.0193417	0.0186136	-0.0553514	1
XLOC_017164	MRPS36	chr5:68513572-68525985	20.8854	20.0995	-0.055337	0.978196
XLOC_015682	MAP4	chr3:47892179-48130769	21.0524	20.261	-0.0552778	0.976618
XLOC_001802	GOLPH3L	chr1:150618700-150669672	6.32666	6.08917	-0.0551987	0.979701
XLOC_013950	LINC00657	chr20:34633539-34638882	25.7609	24.7941	-0.0551852	0.977527
XLOC_018431	QRSL1	chr6:107077440-107116292	4.76134	4.58269	-0.0551739	0.979701
XLOC_007208	DTWD1	chr15:49913225-49937333	7.98331	7.68392	-0.0551445	0.97915
XLOC_011512	SLC35E1	chr19:16660647-16683193	15.2253	14.6547	-0.0551079	0.977103
XLOC_005419	CCNT1	chr12:49082240-49110781	3.84914	3.70496	-0.0550754	0.978945
XLOC_007767	MFG8	chr15:89441913-89456663	15.8975	15.3024	-0.0550422	0.979701
XLOC_005719	MED13L	chr12:116396380-11671495	1.71882	1.65449	-0.0550312	0.979701
XLOC_010962	ARHGAP35	chr19:47421932-47508333	4.19001	4.03336	-0.0549724	0.978981
XLOC_022919	SHC3	chr9:91620685-91793682	0.0368192	0.0354433	-0.0549417	1
XLOC_010016	TBC1D16	chr17:77906141-78009657	4.35208	4.18948	-0.0549361	0.979701
XLOC_005168	SNRNP35	chr12:123942650-12395094	12.0371	11.5876	-0.054903	0.982599
XLOC_006424	CNRX	chr14:71374121-71582099	2.75053	2.64784	-0.054895	0.978196
XLOC_003654	KDM2A	chr11:66886739-67025550	11.7468	11.3087	-0.0548356	0.978945
XLOC_000130	SZRD1	chr1:16693524-16724643	44.3319	42.6811	-0.0547475	0.977332
XLOC_023334	USP9X	chrX:40944887-41095832	6.1468	5.91798	-0.0547316	0.977332
XLOC_000115	FHAD1	chr1:15573767-15724622	1.83024	1.76213	-0.0547084	0.981055
XLOC_001464	INPP5B	chr1:38326368-38412729	5.09955	4.90984	-0.054695	0.979701
XLOC_018255	DEFB	chr6:35265594-35289548	19.1186	18.4075	-0.054682	0.979452
XLOC_022006	NSMAF	chr8:59496063-59572404	17.4703	16.8206	-0.0546813	0.977095
XLOC_007611	ANXA2	chr15:60639349-60690185	600.683	578.356	-0.0546471	0.978703
XLOC_002496	HK1	chr10:71029755-71161637	74.2564	71.4987	-0.0545971	0.977652
XLOC_021929	CCDC25	chr8:27590832-27630170	11.2272	10.8105	-0.054564	0.977358
XLOC_023483	SLC16A2	chrX:73641327-73753764	4.9521	4.76835	-0.0545482	0.979701
XLOC_012741	GPC1	chr2:241375114-241407495	35.4143	34.1004	-0.0545445	0.977995
XLOC_021956	BRF2	chr8:37654400-37707431	10.6331	10.2386	-0.0545415	0.979701
XLOC_001422	MARCKSL1	chr1:32799429-32801840	253.203	243.811	-0.0545299	0.977332
XLOC_016843	PYURF	chr4:89442128-89444952	64.541	62.1473	-0.0545234	0.977103
XLOC_007465	GABRB3	chr15:26788693-27018935	0.665309	0.640637	-0.0545176	0.986725
XLOC_021712	OXR1	chr8:107282405-107764927	9.54039	9.1868	-0.0544858	0.979701

XLOC_005744	POP5	chr12:121016847-12101920	31.9753	30.7904	-0.0544808	0.979701
XLOC_003615	MALAT1	chr11:65265232-65273939	54.4752	52.4608	-0.0543597	0.978703
XLOC_004691	C12orf57	chr12:7053202-7055165	332.32	320.047	-0.0542858	0.978162
XLOC_016619	ZNF721	chr4:419223-533320	3.50557	3.37618	-0.0542555	0.989841
XLOC_016938	MAML3	chr4:140586921-14107523	0.751208	0.723488	-0.0542424	0.993783
XLOC_001033	TAF5	chr1:211499956-21154828	4.1566	4.00326	-0.054226	0.979701
XLOC_008390	CREBBP	chr16:3775055-3930121	3.38319	3.25855	-0.0541558	0.97798
XLOC_013047	TMEM127	chr2:96915945-96931751	10.1056	9.73381	-0.0540712	0.978196
XLOC_001799	APH1A	chr1:150237798-15024160	110.38	106.323	-0.0540206	0.977527
XLOC_008239	NUDT7	chr16:77756388-77776157	4.24065	4.08509	-0.0539169	0.986529
XLOC_005557	LRIG3	chr12:59265936-59314319	0.927884	0.893868	-0.0538828	0.985982
XLOC_008454	ACSM1	chr16:20634558-20702578	0.00722421	0.00695966	-0.0538229	1
XLOC_006781	TRAPPC6B	chr14:39617014-39639634	4.43803	4.2757	-0.0537575	0.979701
XLOC_007432	MEF2A	chr15:100106132-1002566	3.90148	3.75889	-0.0537158	0.979701
XLOC_006124	EBPL	chr13:50234809-50265623	131.451	126.65	-0.0536827	0.977527
XLOC_002830	FAM171A1	chr10:15253643-15413058	15.8848	15.3049	-0.0536547	0.978196
XLOC_003835	PAFAH1B2	chr11:117014999-1170475	19.8316	19.108	-0.0536242	0.97749
XLOC_007780	CIB1	chr15:90773476-9077279	193.147	186.136	-0.0533466	0.981188
XLOC_018620	HTATSFP2	chr6:3020389-3025005	1.86443	1.79682	-0.0532871	0.984692
XLOC_023605	OCRL	chrX:128674251-12872653	8.18911	7.89229	-0.053263	0.97749
XLOC_004303	RASGRP2	chr11:64494382-64512928	0.667184	0.643072	-0.0531054	0.990857
XLOC_011254	MGC2752	chr19:59086765-59095762	11.4251	11.0124	-0.0530802	0.979701
XLOC_006876	COX16,SYNJ2BP,SYNJ2BP	chr14:70791797-70883807	35.4724	34.1934	-0.0529795	0.979701
XLOC_012598	NBEAL1	chr2:203879601-20408271	0.0425483	0.0410146	-0.0529627	1
XLOC_005963	IPO5	chr13:98605928-98676550	28.7581	27.7238	-0.0528384	0.978981
XLOC_015754	WDR22	chr3:52288437-52312659	15.8979	15.3262	-0.0528324	0.978703
XLOC_022518	COL27A1	chr9:116918230-11707297	4.4366	4.27711	-0.052818	0.979906
XLOC_002327	KIAA1045	chr9:34958191-34982541	0.00289436	0.00279034	-0.0527994	1
XLOC_005770	CDK2AP1	chr12:123745516-1237568	50.1981	48.3947	-0.0527832	0.978945
XLOC_018289	FOXPA	chr6:41514163-41570122	10.586	10.2058	-0.0527602	0.979701
XLOC_020763	LRGUK	chr7:133812104-13394893	0.11987	0.115565	-0.0527575	1
XLOC_000526	SNX7	chr1:99127235-99226056	11.63	11.2136	-0.0526064	0.979733
XLOC_010414	ZNF516	chr18:74069636-74207146	2.53022	2.43964	-0.0525999	0.979701
XLOC_0021459	MSRA	chr8:9911829-10286401	9.50345	9.16348	-0.0525561	0.981197
XLOC_002905	AGAP4	chr10:46321049-46342921	1.07816	1.03959	-0.0525521	0.988154
XLOC_012177	FOXN2	chr2:48541794-48606434	3.05662	2.94745	-0.0524699	0.979733
XLOC_002343	PROSER2	chr10:11865396-11936709	3.81875	3.6829	-0.0522571	0.98439
XLOC_007250	ZNF609	chr15:64791618-64978266	3.61323	3.48478	-0.0522225	0.979701
XLOC_016879	INTS12	chr4:106603784-10662988	14.6082	14.0891	-0.0522043	0.979701
XLOC_006811	TXNDC16	chr14:52897307-53019301	0.599926	0.578611	-0.0521913	0.987627
XLOC_021538	RBPMS	chr8:30239634-30429734	30.378	29.2988	-0.0521837	0.981405
XLOC_000850	MGST3	chr1:165600109-16562537	82.242	79.3225	-0.0521445	0.978703
XLOC_011411	EIF3G	chr19:10216898-10230599	310.301	299.289	-0.0521313	0.980533
XLOC_016062	TNIK	chr3:170780291-17117819	6.63332	6.39805	-0.0520989	0.990857
XLOC_021952	TTI2	chr8:33342684-33370703	6.15066	5.93259	-0.0520794	0.991003
XLOC_024155	TMEM185A	chrX:148678215-14871348	6.32117	6.09743	-0.051989	0.981044
XLOC_007823	SOLH	chr16:577855-604636	28.9232	27.9011	-0.0519075	0.97915
XLOC_015897	POLQ	chr3:121150272-12126485	0.589256	0.568466	-0.0518217	0.985982
XLOC_000371	NSUN4	chr1:46805848-46830824	6.87221	6.62979	-0.0518092	0.979701
XLOC_001266	FBXO2	chr1:11708417-11723384	2.02238	1.95106	-0.0517984	0.997036
XLOC_018850	GLO1	chr6:38643701-38670952	103.661	100.008	-0.0517642	0.979701
XLOC_004450	RAB38	chr11:87846414-87908635	23.4816	22.6543	-0.0517452	0.979701
XLOC_009199	PRR11	chr17:57232859-57284070	6.01564	5.80378	-0.0517255	0.979701
XLOC_010722	ZNF486	chr19:20278022-20311299	1.51908	1.46567	-0.0516332	0.985325
XLOC_001559	YIPF1	chr1:54317391-54355487	11.9842	11.5632	-0.0515938	0.979701
XLOC_007486	KATNBL1	chr15:34432874-34502297	6.95078	6.70706	-0.0514941	0.979701
XLOC_014744	CHEK2	chr22:29083730-29137822	13.1093	12.6501	-0.0514406	0.979701
XLOC_022146	EIF3H	chr8:117657054-11776806	584.503	564.053	-0.0513801	0.979701
XLOC_010062	WDR45B	chr17:80572437-80606411	48.0791	46.3985	-0.0513309	0.979701
XLOC_023120	FAM78A	chr9:134133464-13415190	3.63972	3.51251	-0.0513251	0.98297
XLOC_010494	ANKRD24	chr19:4183350-4224811	0.140145	0.135249	-0.0513024	1
XLOC_002138	TMEM81	chr1:205052256-20505358	3.2884	3.17366	-0.051239	0.987334
XLOC_013822	ZNF343	chr20:2462466-2489778	2.84366	2.74465	-0.0511276	0.981753
XLOC_022591	SPTAN1	chr9:131314836-13141912	31.1684	30.0833	-0.0511247	0.985921
XLOC_007792	TTC23	chr15:99676527-99789815	3.02187	2.9168	-0.051056	0.982156
XLOC_004460	SLC36A4	chr11:92880849-92931095	3.71281	3.58372	-0.0510545	0.984851
XLOC_004787	CCDC91	chr12:28410132-28703099	4.56309	4.40457	-0.0510098	0.981044
XLOC_007456	HERC2P2	chr15:23282264-23378259	1.78233	1.7205	-0.0509366	0.984481
XLOC_016132	ACAP2	chr3:194995464-19516381	3.53522	3.4126	-0.0509289	0.979701
XLOC_011477	RFX1	chr19:14072341-14117134	3.17159	3.06158	-0.0509284	0.985154
XLOC_018143	PGBD1	chr6:28249313-28270326	2.03978	1.96914	-0.0508446	0.984917
XLOC_010837	EIF3K	chr19:39109721-39127595	307.019	296.395	-0.0508075	0.979701
XLOC_011727	XRCC1	chr19:44047463-44079730	17.5034	16.8978	-0.0507973	0.979701
XLOC_015720	GMPPB	chr3:49726949-49761384	7.35936	7.10633	-0.0504751	0.99316
XLOC_001728	TRIM33	chr1:114935398-11505378	2.89935	2.79971	-0.0504543	0.979733
XLOC_004874	PCBP2	chr12:53845885-53893444	189.416	182.907	-0.0504534	0.979701
XLOC_007901	THOC6	chr16:3072625-3077756	146.421	141.39	-0.0504405	0.987693
XLOC_007631	MTFMT	chr15:65293849-65321977	10.0556	9.71032	-0.0504094	0.979733
XLOC_016168	CTBP1-AS1	chr4:1243227-1246795	3.81919	3.68807	-0.0504002	0.98297

XLOC_007698	PTPN9	chr15:75759461-75871625	6.29331	6.07757	-0.0503262	0.979733
XLOC_023200	NSMF	chr9:140342022-140353784	99.5173	96.1127	-0.0502197	0.979701
XLOC_005017	TMTC3	chr12:88536072-88593664	1.04954	1.01364	-0.0502106	0.984917
XLOC_018442	FIG4	chr6:110012423-110146634	4.6291	4.47093	-0.0501554	0.980833
XLOC_005025	SOCS2	chr12:93959403-93970521	8.06531	7.78975	-0.0501525	0.979875
XLOC_014602	LOC388906	chr22:42665758-42670868	0.233545	0.225568	-0.0501375	1
XLOC_014203	C21orf33	chr21:45553493-45565605	70.6252	68.2276	-0.0498277	0.979701
XLOC_003734	USP35	chr11:77899857-77925757	2.52735	2.44156	-0.049822	0.985762
XLOC_000890	KLHL20	chr1:173684079-173755840	1.83946	1.77712	-0.0497375	0.986353
XLOC_018960	SLC17A5	chr6:74303101-74363737	9.43172	9.1126	-0.0496587	0.979733
XLOC_016593	TRAPPC11	chr4:184580419-184634747	5.65455	5.46339	-0.0496177	0.979701
XLOC_013476	SOX12	chr20:306214-310872	19.8754	19.204	-0.0495813	0.979701
XLOC_001144	SCCPDH	chr1:246887377-246931440	27.9547	27.0116	-0.0495149	0.979701
XLOC_014544	SH3BP1	chr22:38035683-38052050	23.3271	22.5404	-0.0494928	0.979733
XLOC_001523	LRRCC41	chr1:46713366-46769038	31.8107	30.74	-0.0493969	0.982256
XLOC_002285	AHCTF1	chr1:247002401-247094720	2.13654	2.06465	-0.0493813	0.979965
XLOC_010811	ZNF146	chr19:36673186-36729675	15.4185	14.9004	-0.049306	0.979701
XLOC_001139	DES12	chr1:244816351-244872334	16.6826	16.1228	-0.0492435	0.979701
XLOC_001756	LOC100286793	chr1:143718512-143744587	0.913926	0.883277	-0.0492112	0.991767
XLOC_011871	LRRCC4B	chr19:51020149-51071302	0.858729	0.829993	-0.0491028	0.990857
XLOC_003299	SMPD1	chr11:6411643-6416228	6.97489	6.74162	-0.0490735	0.984917
XLOC_011465	SYCE2	chr19:13001973-13030086	0.813739	0.78655	-0.0490274	0.956382
XLOC_010853	DLL3	chr19:39989556-39999121	0.0212678	0.0205059	-0.0489007	1
XLOC_013923	C20orf203	chr20:31219426-31239783	0.00361382	0.00349339	-0.0488975	1
XLOC_023096	CIZ1	chr9:130928343-131017527	115.744	111.887	-0.048896	0.979733
XLOC_021485	NAT1	chr8:18027970-18081198	2.01019	1.94323	-0.0488738	0.987693
XLOC_000562	CELSR2	chr1:109792640-109818370	2.4435	2.36223	-0.0488024	0.981753
XLOC_015462	FXR1	chr3:180630233-180700530	6.3578	6.14674	-0.0487063	0.979733
XLOC_023446	EFNB1	chrX:68048839-68062006	8.8328	8.54047	-0.0485557	0.981044
XLOC_021211	ZCWPW1	chr7:99998494-100031749	1.13349	1.09601	-0.0485183	0.997036
XLOC_012670	SLC4A3	chr2:220492291-220506702	3.93373	3.8037	-0.0484971	0.984917
XLOC_003818	C11orf57	chr11:111944967-11195752	9.46264	9.14997	-0.0484756	0.987906
XLOC_008702	KIAA1609	chr16:84509965-84538288	5.39593	5.21771	-0.0484534	0.979733
XLOC_011032	PRR12	chr19:50094911-50129696	4.62437	4.47167	-0.0484427	0.984003
XLOC_007511	C15orf52	chr15:40623652-40633168	0.028961	0.0280049	-0.0484331	1
XLOC_007868	SLC9A3R2	chr16:2076868-2089027	39.4027	38.102	-0.048428	0.979733
XLOC_023041	FBXW2	chr9:123519253-123555740	8.2737	8.00101	-0.0483511	0.979701
XLOC_010895	PRR19	chr19:42801184-42814973	7.55813	7.30908	-0.0483409	0.994615
XLOC_002233	NUP133	chr1:229577043-229644080	7.65249	7.40047	-0.0483117	0.979733
XLOC_002316	WDR37	chr10:1102775-1178237	5.71899	5.53067	-0.0483072	0.979875
XLOC_021589	RGS20	chr8:54764367-54871863	0.0808342	0.078173	-0.0482951	1
XLOC_000515	FNBP1L	chr1:93913687-94020218	5.03971	4.87382	-0.0482893	0.980559
XLOC_006400	PLEKHG3	chr14:651171192-65211060	11.1734	10.8066	-0.0481511	0.979733
XLOC_014097	ANKRD30BP2	chr21:14410486-14490571	0.0257005	0.0248582	-0.048075	1
XLOC_001368	AUNIP	chr1:26160496-26185848	6.06648	5.86777	-0.0480481	0.98297
XLOC_013381	DNPEP	chr2:220238179-220252662	46.748	45.2167	-0.0480476	0.979701
XLOC_009514	TEKT3	chr17:15207128-15244958	0.143549	0.138852	-0.0479975	1
XLOC_011471	CACNA1A	chr19:13317255-13617274	0.00255231	0.00246885	-0.0479672	1
XLOC_022253	COMMD5	chr8:146075550-146078932	64.7695	62.6545	-0.0478953	0.979733
XLOC_001575	OMA1	chr1:58946390-59012446	5.73981	5.55239	-0.0478951	0.983594
XLOC_001520	IPP	chr1:46153846-46216485	1.09281	1.05718	-0.0478163	0.996453
XLOC_007922	MGRN1	chr16:4674824-4740975	17.8771	17.2945	-0.0478044	0.979733
XLOC_004991	TMEM19	chr12:72079877-72097839	2.77106	2.68076	-0.0477967	0.984917
XLOC_023597	MCTS1	chrX:119737743-119755011	2.89983	2.80534	-0.0477929	0.979733
XLOC_015835	DHFR1	chr3:93776765-93845630	0.81592	0.789339	-0.0477831	0.990324
XLOC_012471	FMNL2	chr2:153191750-153506340	7.36172	7.12207	-0.0477453	0.979875
XLOC_009237	PRKCA	chr17:64298925-64806862	0.905788	0.876316	-0.0477216	0.986822
XLOC_018600	MLLT4	chr6:168227670-168372700	4.99122	4.82894	-0.0476854	0.979733
XLOC_015153	CCDC66	chr3:56591183-56717135	1.40312	1.35755	-0.0476379	0.994615
XLOC_016329	SRP72	chr4:57333761-57369847	20.7073	20.0348	-0.0476305	0.979701
XLOC_008774	MED11	chr17:4634722-4643223	23.6276	22.8622	-0.047508	0.993379
XLOC_015818	RYBP	chr3:72423743-72495774	6.79607	6.57603	-0.0474848	0.979875
XLOC_000533	TRMT13	chr1:100598705-100643820	2.47091	2.39093	-0.0474753	0.987334
XLOC_009792	PLEKHM1	chr17:43513265-43568146	10.4763	10.1373	-0.0474564	0.980663
XLOC_007379	PDE8A	chr15:85523743-85682376	5.2842	5.11344	-0.047389	0.982482
XLOC_010292	CEP76	chr18:12658737-12725739	1.65211	1.59876	-0.0473625	0.995957
XLOC_015918	ZNF148	chr3:124944512-125094190	1.87981	1.81911	-0.0473545	0.981753
XLOC_009651	PCGF2	chr17:36886509-36904558	43.4912	42.0875	-0.0473329	0.985283
XLOC_009945	CPSF4L	chr17:71228775-71258019	0.0316218	0.0306017	-0.0473076	1
XLOC_002722	GRK5	chr10:120967196-12121513	5.49207	5.31493	-0.0472978	0.984917
XLOC_021661	WWP1	chr8:87354993-87480178	6.75905	6.54118	-0.0472716	0.980177
XLOC_009981	ACOX1	chr17:73937588-74002080	4.07637	3.94501	-0.0472543	0.986822
XLOC_002958	JMJD1C	chr10:64926987-65226322	4.71584	4.56407	-0.0471911	0.980471
XLOC_007339	TMED3	chr15:79603490-79615189	97.7677	94.6226	-0.0471723	0.979701
XLOC_005670	CKAP4	chr12:106631658-10664171	21.3341	20.648	-0.0471547	0.979875
XLOC_023381	CCDC22	chrX:49091926-49121288	18.2213	17.6364	-0.0470685	0.981044
XLOC_014692	SCARF2	chr22:20778873-20792146	1.63017	1.57788	-0.0470356	0.990857
XLOC_021888	CNOT7	chr8:17086739-17104387	27.468	26.587	-0.0470331	0.979733
XLOC_023167	INPP5E	chr9:139323066-139334250	22.6077	21.8828	-0.0470155	0.979835

XLOC_004671	LTBR	chr12:6456008-6500737	39.8518	38.5797	-0.0468033	0.979875
XLOC_013657	DHX35	chr20:37590980-37668366	3.65222	3.53568	-0.0467836	0.985921
XLOC_013229	METTL8	chr2:172173912-17234156;	2.27863	2.20597	-0.0467526	0.986822
XLOC_018994	UBE2J1	chr6:90036343-90062619	10.5182	10.183	-0.0467334	0.979701
XLOC_001605	ZRANB2	chr1:71318035-71546972	12.4796	12.0818	-0.0467315	0.98038
XLOC_013314	ALS2	chr2:202564985-20264589;	3.71061	3.59237	-0.0467205	0.985921
XLOC_000847	NUF2	chr1:163291722-16332555;	12.0056	11.6237	-0.0466373	0.981044
XLOC_009469	KCNAB3	chr17:7825176-7832753	0.58523	0.566634	-0.046588	0.991767
XLOC_012567	NABP1	chr2:192542797-19255324;	18.5456	17.9566	-0.0465605	0.982349
XLOC_015502	SNORA63	chr3:186501360-18652448;	60.1992	58.2908	-0.0464757	0.99714
XLOC_001259	DFFA	chr1:10520602-10532613	16.0474	15.539	-0.0464456	0.982517
XLOC_015714	GPX1	chr3:49394608-49395791	733.099	709.888	-0.0464176	0.980171
XLOC_017077	MARCH6	chr5:10353750-10440500	9.79417	9.48408	-0.046416	0.979701
XLOC_023991	TCEAL8	chrX:102507922-10251012	44.8169	43.3997	-0.046358	0.979701
XLOC_003498	C11orf31	chr11:57479994-57586652	162.919	157.769	-0.0463417	0.988142
XLOC_012552	FAM171B	chr2:187558788-18762851;	0.220759	0.213783	-0.046322	1
XLOC_023907	ZC4H2	chrX:64135681-64254624	4.875	4.72098	-0.0463159	0.985921
XLOC_018331	ENPP4	chr6:46097700-46114436	1.65495	1.60266	-0.0463155	0.985921
XLOC_007576	TRPM7	chr15:50849351-50979012	2.51692	2.43751	-0.0462471	0.981753
XLOC_022779	DDX58	chr9:32455299-32526322	0.500775	0.484979	-0.0462397	0.98972
XLOC_004981	DYZ2	chr12:69742133-69748013	0.0564913	0.0547163	-0.0460564	1
XLOC_016164	PCGF3	chr4:699572-764427	5.13413	4.97295	-0.0460162	0.981753
XLOC_009793	LRRC37A4P	chr17:43583248-43597889	0.976194	0.945569	-0.0459855	0.986822
XLOC_016853	ADH5	chr4:99992129-100009931	47.4064	45.9194	-0.0459796	0.981506
XLOC_005060	PARBPB	chr12:102513955-1025916;	1.62909	1.57802	-0.0459461	0.987858
XLOC_000284	ADPRHL2	chr1:36554452-36559533	36.8355	35.6811	-0.045938	0.980556
XLOC_012815	C2orf44	chr2:24252205-24270296	3.063	2.967	-0.0459372	0.984917
XLOC_023276	ZRSR2	chrX:15808573-15841382	6.60454	6.39771	-0.0459027	0.985921
XLOC_014963	SLC6A6	chr3:14444105-14583588	3.69913	3.58341	-0.0458522	0.986725
XLOC_023377	PQBP1	chrX:48750729-48760422	80.7945	78.2673	-0.0458466	0.989365
XLOC_004387	NUMA1	chr11:71709957-71823822	19.358	18.7529	-0.0458196	0.988165
XLOC_023456	KIF4A	chrX:69509878-69640774	6.08352	5.89365	-0.0457459	0.981905
XLOC_008990	LIG3	chr17:33307516-33332088	5.48182	5.31077	-0.0457333	0.983594
XLOC_007544	TP53BP1	chr15:43663312-43910998	2.8434	2.75476	-0.0456907	0.992797
XLOC_005962	RAP2A	chr13:98086474-98120252	3.24863	3.1474	-0.0456694	0.984917
XLOC_018476	PKIB	chr6:122793061-12304751;	0.0487756	0.0472565	-0.0456479	1
XLOC_014161	DOPEY2	chr21:37536838-37666572	1.58688	1.53762	-0.0454927	0.986655
XLOC_010215	NEDD4L	chr18:55711609-56068772	8.56167	8.29597	-0.0454816	0.980556
XLOC_011077	FPR3	chr19:52298410-52329334	0.0382391	0.0370528	-0.0454669	1
XLOC_013302	KCTD18	chr2:201353683-20137479;	2.29338	2.22227	-0.0454361	0.987693
XLOC_012843	ZNF513	chr2:27593362-27603611	9.53757	9.24204	-0.0454107	0.99451
XLOC_023698	SSR4	chrX:153051220-15306396	443.534	429.822	-0.0453061	0.986353
XLOC_021694	VPS13B	chr8:100025493-10088981;	1.60465	1.55516	-0.0451919	0.984917
XLOC_018200	SNORA38	chr6:31588449-31605554	2.12607	2.06058	-0.0451389	1
XLOC_012261	POLE4	chr2:75185774-75196859	90.0762	87.3043	-0.045093	0.981044
XLOC_017325	SEC24A	chr5:133984474-13406360;	1.9593	1.89911	-0.0450155	0.985325
XLOC_021055	TNS3	chr7:47314751-47621742	0.00231473	0.00224366	-0.0449902	1
XLOC_014904	MAPK11	chr22:50702141-50708779	15.333	14.8624	-0.0449706	0.982907
XLOC_003912	ST3GAL4	chr11:126225539-1262845;	19.3951	18.8	-0.0449579	0.982144
XLOC_014819	PLAZG6	chr22:38507501-38577836	2.28969	2.21961	-0.0448472	0.987693
XLOC_013244	KIAA1715	chr2:176790409-17686701;	4.23965	4.1099	-0.0448419	0.984401
XLOC_014164	SIM2	chr21:38071990-38122510	3.40413	3.29995	-0.0448418	0.986353
XLOC_001578	JUN	chr1:59246462-59249785	137.796	133.59	-0.0447197	0.982379
XLOC_005709	RPL6	chr12:112842993-1128474	2734.11	2650.68	-0.0447077	0.984917
XLOC_010190	C18orf25	chr18:43753987-43846955	2.03387	1.97183	-0.0446921	0.985921
XLOC_003390	TCF1L1	chr11:33060962-33095109	3.47823	3.37226	-0.0446379	0.986822
XLOC_008313	LUC7L	chr16:238969-279449	24.1528	23.4177	-0.0445914	0.984063
XLOC_021020	FAM183B	chr7:38724945-38726689	0.457198	0.443331	-0.0444339	0.99351
XLOC_008397	CDIP1	chr16:4560676-4588816	0.00755108	0.00732219	-0.0444079	1
XLOC_007404	CRTC3	chr15:91073117-91188577	6.899	6.69008	-0.0443634	0.982907
XLOC_008914	SPECC1	chr17:19912648-20218072	6.67868	6.47652	-0.0443428	0.982907
XLOC_012891	THADA	chr2:43457974-43823185	1.75802	1.70481	-0.0443399	0.986353
XLOC_013813	NSFL1C	chr20:1422806-1448337	21.4184	20.7703	-0.0443281	0.981207
XLOC_005438	FMNL3	chr12:50017196-50101197	3.5338	3.42724	-0.0441732	0.98297
XLOC_015295	PARP14	chr3:122399671-12244968;	2.79073	2.70674	-0.0440908	0.982937
XLOC_015053	SNRK	chr3:43328003-43393454	0.5387	0.522489	-0.0440812	0.990857
XLOC_009944	FAM104A	chr17:71189172-71228533	14.1183	13.6935	-0.0440782	0.986822
XLOC_010310	OSBPL1A	chr18:21742010-21977833	3.82952	3.71444	-0.0440182	0.986353
XLOC_002380	MSRB2	chr10:23384426-23410942	9.09755	8.82468	-0.0439336	0.985567
XLOC_000933	SWT1	chr1:185087217-18526091;	0.843349	0.818064	-0.0439156	0.99451
XLOC_002116	KDM5B	chr1:202696531-2027754;	6.49968	6.30495	-0.0438827	0.981753
XLOC_012145	GALM	chr2:38893051-38961909	4.57433	4.43736	-0.043861	0.986822
XLOC_016162	PDE6B	chr4:619362-664681	0.00632286	0.00613396	-0.0437582	1
XLOC_017346	CTNNA1	chr5:138089106-13827072;	54.6891	53.0582	-0.0436778	0.981044
XLOC_023766	PIGA	chrX:15337572-15353676	2.88463	2.79862	-0.0436706	0.987334
XLOC_015548	CRBN	chr3:3191316-3221401	6.4893	6.29589	-0.0436535	0.986655
XLOC_003579	OTUB1	chr11:63753324-63765892	65.0221	63.0851	-0.0436307	0.982412
XLOC_006401	CHURC1,CHURC1-FNTB,FI	chr14:65381078-65569413	24.7334	23.9977	-0.0435635	0.990857
XLOC_010322	B4GALT6	chr18:29202208-29264686	3.74721	3.63593	-0.0434925	0.984917

XLOC_022811	FANCG	chr9:35073834-35080013	17.9972	17.4631	-0.0434656	0.982349
XLOC_018786	PRRT1	chr6:32116139-32119720	1.95156	1.89377	-0.0433694	0.991767
XLOC_006800	SOS2	chr14:50583845-50698099	1.51501	1.47016	-0.0433537	0.987334
XLOC_002719	CASC2	chr10:119806331-11996966	0.194277	0.188536	-0.0432755	1
XLOC_001248	ERRFI1	chr1:8071778-8086393	52.2732	50.7289	-0.0432658	0.984668
XLOC_018199	PRRC2A	chr6:31588449-31605554	33.406	32.4202	-0.0432178	0.982517
XLOC_011588	SLC7A10	chr19:33685598-33716756	0.18463	0.179187	-0.0431719	1
XLOC_008673	GLG1	chr16:74481325-74641042	17.6948	17.1745	-0.0430564	0.981753
XLOC_001209	SLC35E2B	chr1:1571099-1655791	6.11015	5.93079	-0.0429842	0.990324
XLOC_023094	LOC100289019	chr9:130873449-130881013	1.65006	1.60164	-0.0429651	0.988571
XLOC_013547	LINC00493	chr20:18548072-18550203	132.972	129.07	-0.0429635	0.98439
XLOC_009844	MRPL27	chr17:48445227-48450562	79.9859	77.6487	-0.0427833	0.98439
XLOC_002680	SLK	chr10:105727469-10578734	3.81012	3.69893	-0.042729	0.984917
XLOC_007128	ANP32AP1	chr15:35529526-35530264	0.0227135	0.0220508	-0.0427189	1
XLOC_015768	TKT	chr3:53258722-53290130	302.53	293.709	-0.0426934	0.983493
XLOC_009982	EVPL	chr17:74002926-74023507	4.81442	4.67404	-0.042692	0.986822
XLOC_005827	RASL11A	chr13:27844463-27847827	3.05825	2.96924	-0.042612	0.990857
XLOC_006117	MED4	chr13:48649863-48669277	16.4065	15.9297	-0.0425447	0.98439
XLOC_002631	ZFYVE27	chr10:99496877-99520664	14.9778	14.5428	-0.0425133	0.984917
XLOC_008456	ERL2	chr16:20775311-20860990	3.49707	3.39559	-0.0424847	0.990857
XLOC_017692	MRPS27	chr5:71515235-71616084	39.2146	38.0773	-0.0424617	0.98241
XLOC_006868	ACTN1	chr14:69340839-69446083	71.3819	69.3169	-0.0423517	0.982703
XLOC_023046	RAB14	chr9:123940414-123964365	22.2377	21.5979	-0.0421164	0.982907
XLOC_021981	RNF170	chr8:42704779-42751866	5.45254	5.2957	-0.0421055	0.986822
XLOC_001256	CLSTN1	chr1:9711789-9884550	28.7579	27.9317	-0.0420555	0.984917
XLOC_023994	RAB40A	chrX:102754680-102774411	0.574153	0.557673	-0.042017	0.993379
XLOC_021892	ASAH1	chr8:17913924-17942507	26.2067	25.4545	-0.04201	0.982497
XLOC_012910	ASB3,GPR75,GPR75-ASB3	chr2:53897116-54087170	3.34273	3.24687	-0.0419732	0.994615
XLOC_013639	SRC	chr20:35973087-36033821	18.7049	18.1689	-0.041947	0.984861
XLOC_002046	RFWD2	chr1:175913966-176176370	9.27457	9.00927	-0.0418704	0.984917
XLOC_003851	PHLDB1	chr11:118477212-11852874	3.06648	2.97893	-0.0417866	0.986822
XLOC_012861	DPY30	chr2:32248971-32264844	58.5951	56.9271	-0.0416636	0.984481
XLOC_003795	AASDHPPT	chr11:105921824-10596941	9.84823	9.5679	-0.0416631	0.985283
XLOC_003871	ARHGEF12	chr11:120207617-12036064	5.16484	5.01797	-0.0416186	0.982907
XLOC_005107	ADAM1A	chr12:112336866-11233970	0.450457	0.437664	-0.0415661	0.992797
XLOC_018809	VPSS2	chr6:33217312-33239662	8.94187	8.68818	-0.041523	0.985094
XLOC_017353	PURA	chr5:139493707-139499001	3.91812	3.80696	-0.0415213	0.985921
XLOC_017971	RAB24	chr5:176728198-176730744	28.2398	27.4393	-0.0414844	0.985094
XLOC_000926	LAMC1	chr1:182992594-183114727	10.3137	10.0213	-0.0414831	0.983256
XLOC_014603	SERHL	chr22:42896584-42915829	0.014767	0.0143485	-0.0414732	1
XLOC_008644	TERF2	chr16:69389463-69419891	10.7976	10.4917	-0.0414654	0.984917
XLOC_022786	BAG1	chr9:33252469-33264759	16.9679	16.4874	-0.0414443	0.984917
XLOC_021783	ZNF707	chr8:144766621-144777555	9.90311	9.62275	-0.0414328	0.986822
XLOC_013629	PHF20	chr20:34359922-34538288	2.74153	2.66403	-0.0413733	0.986529
XLOC_014193	NDUFV3	chr21:44313377-44329773	29.2246	28.3987	-0.041361	0.986655
XLOC_002800	GDI2	chr10:5807185-5855512	158.595	154.117	-0.0413293	0.98439
XLOC_020674	ORAI2	chr7:102073976-102105321	3.25028	3.15852	-0.0413172	0.989136
XLOC_021879	LOC729732	chr8:12294521-12523120	1.49252	1.45041	-0.0412808	0.992797
XLOC_002231	CCSAP	chr1:229456751-229478688	1.79529	1.74467	-0.0412576	0.987693
XLOC_008332	TSR3	chr16:1383605-1401873	102.913	100.025	-0.0410603	0.985325
XLOC_016512	MGST2	chr4:140586921-141075233	71.9656	69.9483	-0.0410185	0.985124
XLOC_009046	WIPF2	chr17:38375573-38438439	4.5669	4.43894	-0.0409995	0.985921
XLOC_000733	INTS3	chr1:153700566-153746555	8.55192	8.3127	-0.0409315	0.984917
XLOC_008953	TP5313	chr17:27895738-27900175	59.0693	57.4173	-0.0409208	0.984917
XLOC_006995	CDCA4	chr14:105475909-10548742	33.7272	32.7871	-0.0407857	0.985124
XLOC_012392	BCWD2	chr2:114195267-114253781	1.78228	1.73264	-0.0407528	0.990324
XLOC_014821	CSNK1E	chr22:38686696-38714089	67.9689	66.0784	-0.0406951	0.983594
XLOC_015750	LINC00696	chr3:52096109-52099128	0.00561652	0.00546038	-0.0406762	1
XLOC_021497	FAM160B2	chr8:21946713-21961891	18.1004	17.6011	-0.0403529	0.984917
XLOC_013228	TLK1	chr2:171847332-172087824	6.68218	6.49789	-0.0403468	0.984917
XLOC_012007	ZNF497	chr19:58858171-58874214	1.67764	1.63138	-0.0403416	0.990994
XLOC_020687	CDHR3	chr7:105603656-105676877	0.0531265	0.0516631	-0.0402987	1
XLOC_007833	RHOT2	chr16:718082-724174	41.0617	39.9307	-0.0402935	0.984772
XLOC_004924	ESYT1	chr12:56521985-56538460	42.4402	41.2716	-0.0402845	0.984917
XLOC_011768	IRF2BP1	chr19:46386865-46389376	21.6854	21.0884	-0.040273	0.986725
XLOC_000593	DDX20	chr1:112264685-112310195	6.6538	6.47067	-0.040265	0.987693
XLOC_013793	UCKL1-AS1	chr20:62571181-62601223	0.164997	0.160463	-0.0402021	1
XLOC_000994	SOX13	chr1:204042245-204096871	4.34927	4.22995	-0.0401343	0.987334
XLOC_022385	FXN	chr9:71650478-71715094	9.77318	9.50597	-0.0399946	0.991767
XLOC_009480	CTC1	chr17:8128138-8154143	2.77302	2.69725	-0.03997	0.986529
XLOC_021251	PUS7	chr7:105096959-105162685	7.69471	7.48519	-0.0398281	0.986822
XLOC_008769	CYB5D2	chr17:4046461-4060995	15.1753	14.7633	-0.0397136	0.987693
XLOC_013457	ANKMY1	chr2:241418838-241497405	1.50181	1.46105	-0.0397016	0.991351
XLOC_004261	TUT1	chr11:62342516-62359109	10.3548	10.0738	-0.0396957	0.986353
XLOC_007108	LOC646278	chr15:29034979-29101720	0.397821	0.387024	-0.0396942	0.99351
XLOC_003662	RPS6KB2	chr11:67195934-67202879	51.9921	50.5812	-0.0396911	0.984917
XLOC_019051	TSPYL1	chr6:116596021-116601280	20.7385	20.1768	-0.039609	0.985921
XLOC_015746	PCBP4	chr3:51989329-52001482	43.8443	42.6587	-0.0395478	0.985093
XLOC_012012	ZBTB45	chr19:59024896-59030921	11.1265	10.8261	-0.0394759	0.987693

XLOC_018177	TUBB	chr6:30688156-30693195	471.499	458.777	-0.0394611	0.986822
XLOC_022960	AAED1	chr9:99403532-99417599	29.6763	28.8757	-0.0394572	0.985325
XLOC_023694	SLC6A8	chrX:152953751-152962041	64.6247	62.883	-0.0394154	0.985921
XLOC_008244	CENPN	chr16:81009698-81066709	19.6803	19.1504	-0.0393801	0.991767
XLOC_023612	RBMX2	chrX:129535942-129547311	19.6414	19.1127	-0.0393721	0.986735
XLOC_022836	FBXO10	chr9:37510888-37576250	2.60464	2.53476	-0.0392338	0.987693
XLOC_006970	CCDC85C	chr14:99947738-100070721	17.9056	17.4269	-0.039095	0.988817
XLOC_012514	DLX1	chr2:172950207-172954401	4.88665	4.75605	-0.0390839	0.98922
XLOC_009231	C17orf72	chr17:62075710-62097994	0.0819254	0.0797368	-0.0390652	1
XLOC_011892	CTU1	chr19:51600862-51611647	12.9298	12.5858	-0.0389063	0.987858
XLOC_017752	FLJ35946	chr5:98104998-98132198	0.404312	0.393565	-0.0388683	0.997036
XLOC_017785	ALDH7A1	chr5:125877532-125931082	15.2819	14.8759	-0.038844	0.984917
XLOC_021302	MGC27345	chr7:127937737-127947811	1.98713	1.93436	-0.0388275	0.986822
XLOC_008159	CKLF_CKLF-CMTM1,CMTM	chr16:66586465-66613038	60.5588	58.9544	-0.0387373	0.986822
XLOC_013010	TRABD2A	chr2:85048795-85108252	18.1268	17.6472	-0.0386888	0.986822
XLOC_007783	PRC1	chr15:91509267-91537881	18.7576	18.2624	-0.0386045	0.986822
XLOC_019131	STXBP5-AS1	chr6:147162524-147711612	0.0288689	0.0281074	-0.0385648	1
XLOC_008873	TTC19	chr17:15879874-15932723	22.0089	21.4289	-0.0385257	0.987235
XLOC_000076	PGD	chr1:10459084-10480201	114.216	111.219	-0.0383682	0.985325
XLOC_016283	GNR19	chr4:39184023-39287430	2.48738	2.42225	-0.038276	0.987858
XLOC_004683	GNB3	chr12:6949374-6956557	2.01398	1.96136	-0.0381954	0.991767
XLOC_022097	KIAA1429	chr8:95500004-95565746	6.04393	5.88636	-0.0381103	0.986822
XLOC_010916	ZNF225	chr19:44617547-44637255	0.594552	0.579065	-0.0380796	0.991767
XLOC_017723	SSBP2	chr5:80256507-81047072	2.16397	2.10789	-0.0378813	0.99351
XLOC_018775	NEU1	chr6:31826828-31830709	81.3442	79.2366	-0.0378714	0.986822
XLOC_004133	CCDC73	chr11:32605312-32816187	3.82977	3.73059	-0.037857	0.996079
XLOC_013328	METTL21A	chr2:208473838-208489973	8.56625	8.34472	-0.0377997	0.985921
XLOC_003028	MMRN2	chr10:88695297-88717425	0.212233	0.206746	-0.0377925	1
XLOC_005937	LMO7	chr13:76194569-76434006	2.75726	2.68606	-0.0377453	0.986822
XLOC_006659	CEP170B	chr14:105331649-105363111	11.7227	11.421	-0.0376177	0.986822
XLOC_020375	TMEM106B	chr7:12250847-12276890	3.54554	3.45443	-0.0375575	0.986822
XLOC_008868	ZNF286A	chr17:15602890-15624100	2.21664	2.15971	-0.0375363	0.987693
XLOC_006706	DAD1	chr14:23033806-23058143	230.044	224.139	-0.0375145	0.986353
XLOC_013698	CD40	chr20:44746905-44758384	17.9356	17.4755	-0.0374905	0.987423
XLOC_021408	PRKAG2	chr7:151253200-151576308	17.5497	17.0999	-0.0374604	0.988019
XLOC_015148	ITH3	chr3:52828783-52843025	0.00530308	0.00516734	-0.0374073	1
XLOC_021834	DEFA5	chr8:6912828-69144259	0.0612678	0.0596997	-0.0374052	1
XLOC_012683	AGFG1	chr2:228336847-228425938	4.28465	4.17563	-0.037183	0.989268
XLOC_022610	NCS1	chr9:132934856-132999583	50.7682	49.4772	-0.0371603	0.986539
XLOC_001449	LSM10	chr1:36859030-36863493	63.5515	61.9359	-0.0371502	0.987334
XLOC_022230	PLEC	chr8:144989320-145050913	14.3909	14.0252	-0.0371342	0.986353
XLOC_003365	HTATIP2	chr11:20385230-20405329	37.7416	36.7851	-0.0370337	0.986822
XLOC_022477	STX17	chr9:102668914-102736811	2.99124	2.91549	-0.0370029	0.986822
XLOC_012626	SPAG16	chr2:214149102-215275221	7.67137	7.47736	-0.036956	0.989268
XLOC_022437	ANKRD19P	chr9:95571892-95600739	0.8121	0.79157	-0.0369401	0.992841
XLOC_007257	RAB11A	chr15:66161796-66184329	21.8503	21.2985	-0.0369004	0.986822
XLOC_003515	STX3	chr11:59522531-59573355	13.576	13.2341	-0.0367984	0.986822
XLOC_016831	WDFY3	chr4:85590692-85887544	1.06824	1.04137	-0.0367598	0.987858
XLOC_004677	COP5A	chr12:6833149-6841041	51.4212	50.1281	-0.036744	0.986822
XLOC_017240	RFESD	chr5:94982480-94992849	1.57059	1.53113	-0.0367127	0.991767
XLOC_006304	NFATC4	chr14:24836144-24848810	0.446736	0.435518	-0.0366916	0.99316
XLOC_018808	RXR8	chr6:33161361-33168473	23.2028	22.6202	-0.0366884	0.986822
XLOC_002657	LOC100289509	chr10:103578824-10360361	0.33605	0.327626	-0.0366231	1
XLOC_005991	ARHGEF7	chr13:111767623-11195808	8.77413	8.55467	-0.0365438	0.986832
XLOC_006254	APEX1	chr14:20923289-20925931	195.36	190.484	-0.0364657	0.987334
XLOC_001081	ADCK3	chr1:227127937-227175248	22.9502	22.3793	-0.0363438	0.986822
XLOC_022909	ISCA1	chr9:88879462-88897490	26.2037	25.5555	-0.0361373	0.986822
XLOC_004312	ATG2A	chr11:64662003-64684722	10.8876	10.6184	-0.0361311	0.986822
XLOC_016529	TMEM184C	chr4:148538538-148556672	4.43073	4.32124	-0.0361001	0.988154
XLOC_008654	COG4	chr16:70514471-70557457	10.7824	10.5167	-0.0360003	0.987423
XLOC_000565	CYB561D1	chr1:110036657-110043063	3.9224	3.82574	-0.0359987	0.987858
XLOC_015692	UQCRC1	chr3:48636431-48647098	230.221	224.549	-0.0359894	0.986822
XLOC_006803	MAP4K5	chr14:50885210-50999376	8.60412	8.39216	-0.0359866	0.986822
XLOC_015824	ROBO1	chr3:78646387-79817059	1.07086	1.04452	-0.0359352	0.990324
XLOC_001551	ECHDC2	chr1:53361581-53387446	9.99028	9.74471	-0.0359071	0.989344
XLOC_008989	ZNF830	chr17:33288548-33290205	11.1489	10.8749	-0.0359055	0.988165
XLOC_005891	FNDC3A	chr13:49550047-49783915	5.10404	4.97868	-0.0358775	0.986822
XLOC_022958	ZNF367	chr9:99148224-99180669	3.80706	3.7136	-0.0358578	0.98907
XLOC_008355	PKD1	chr16:2097989-2185899	4.62984	4.51621	-0.0358502	0.991459
XLOC_013795	LINC00176	chr20:62665696-62671315	0.389443	0.379896	-0.0358096	0.99351
XLOC_022517	ZNF618	chr9:116638561-116818873	2.16574	2.11273	-0.0357522	0.987858
XLOC_004084	RRAS2	chr11:14299465-14386052	19.5038	19.0269	-0.0357108	0.986822
XLOC_010003	SOC3	chr17:76352858-76356158	17.743	17.3095	-0.035685	0.987693
XLOC_017791	HINT1	chr5:130494975-130501041	740.772	722.691	-0.0356503	0.987423
XLOC_021134	TMEM60	chr7:77423044-77427747	27.0015	26.3428	-0.0356294	0.988154
XLOC_009804	MRPL10	chr17:45900637-45908907	82.4562	80.4458	-0.0356098	0.987423
XLOC_021744	NSMCE2	chr8:126104082-126379361	24.2961	23.704	-0.0355948	0.987693
XLOC_009801	CDC27	chr17:45195310-45266665	6.99815	6.82772	-0.0355693	0.987334
XLOC_018777	EHMT2	chr6:31847536-31865464	20.6931	20.1893	-0.0355623	0.986822

XLOC_017599	MTMR12	chr5:32227110-32313114	3.86759	3.7735	-0.0355311	0.987693
XLOC_003601	SAC3D1	chr11:64808375-64826009	45.6185	44.509	-0.035521	0.987627
XLOC_005321	DUSP16	chr12:12626215-12715448	2.74982	2.68297	-0.0355065	0.987858
XLOC_005361	ITPR2	chr12:26488284-26986131	0.390785	0.381291	-0.0354811	0.990857
XLOC_001497	SLC2A1	chr1:43391045-434449029	99.4958	97.0803	-0.0354571	0.987693
XLOC_002362	STAM	chr10:17686123-17758821	6.6386	6.47745	-0.0354521	0.987693
XLOC_004380	SHANK2	chr11:70313960-70935808	0.573049	0.559155	-0.035411	0.991614
XLOC_004135	C11orf91	chr11:33719653-33722286	1.91393	1.86754	-0.0353956	0.99351
XLOC_008257	OSGIN1	chr16:83986826-83999937	17.5082	17.084	-0.0353865	0.988165
XLOC_016538	ARFIP1	chr4:153701111-153833063	6.05147	5.90564	-0.0351935	0.987693
XLOC_019101	MAP7	chr6:136663418-136871957	5.77609	5.63702	-0.0351599	0.987693
XLOC_015915	HEG1	chr3:124684553-124774802	1.84163	1.7973	-0.035152	0.987896
XLOC_022697	ARRDC1	chr9:140500095-140513308	93.1949	90.9568	-0.0350691	0.987693
XLOC_012957	NFU1	chr2:69623244-69664760	36.7118	35.8314	-0.0350212	0.987693
XLOC_009539	USP32P2	chr17:18414575-18424566	0.0736693	0.0719049	-0.0349749	1
XLOC_001995	TADA1	chr1:166825748-166845654	7.52815	7.34785	-0.0349747	0.988165
XLOC_007829	RAB40C	chr16:639356-679273	16.1603	15.7734	-0.0349674	0.987858
XLOC_012883	THUMP2D	chr2:39963199-40006416	8.92965	8.71591	-0.034951	0.987693
XLOC_014796	TXN2	chr22:36863092-36877687	103.642	101.163	-0.0349215	0.987423
XLOC_018362	KIAA1586	chr6:56911383-56920023	2.85638	2.78813	-0.0348876	0.989365
XLOC_004616	RIPUSD4	chr11:126071988-12608158	22.7765	22.2324	-0.0348836	0.987693
XLOC_003992	TRIM21	chr11:4406126-4414926	6.69394	6.53418	-0.0348486	0.989344
XLOC_010588	C19orf52	chr19:11039423-11040916	17.824	17.3987	-0.0348402	0.988165
XLOC_005094	ANKRD13A	chr12:110437234-11047723	27.7836	27.1206	-0.03484	0.987334
XLOC_015684	NME6	chr3:48335588-48342848	13.2876	12.9707	-0.0348257	0.989841
XLOC_007344	ARNT2	chr15:80696691-80890277	1.83706	1.79326	-0.0348109	0.989869
XLOC_017669	DEPDC1B	chr5:59892738-59995993	7.39339	7.21718	-0.0348012	0.988166
XLOC_014200	AGPAT3	chr21:45285115-45407475	8.04934	7.85752	-0.0347955	0.986822
XLOC_013862	ESF1	chr20:13694968-13765579	2.34902	2.29307	-0.0347745	0.989663
XLOC_011428	YIPF2	chr19:10982252-11039357	32.5522	31.777	-0.0347703	0.99351
XLOC_020802	EPHB6	chr7:142552791-142568884	0.135941	0.132714	-0.0346615	1
XLOC_008854	ADPRM	chr17:10600926-10614875	6.26911	6.12053	-0.0346044	0.989365
XLOC_009226	MAP3K3	chr17:61699800-61777519	4.94232	4.82531	-0.0345664	0.991767
XLOC_005688	MMAB	chr12:109991520-11001133	6.35225	6.20188	-0.0345611	0.988154
XLOC_002201	SUSD4	chr1:223394160-223537544	0.254	0.247991	-0.0345383	1
XLOC_008072	TRIM72	chr16:31225341-31236510	4.48787	4.38172	-0.0345333	0.991767
XLOC_022055	TPD52	chr8:80947104-81083836	32.958	32.1816	-0.0343949	0.987693
XLOC_011068	IGLON5	chr19:51815101-51834102	0.00636953	0.0062201	-0.0342494	1
XLOC_010762	KCTD15	chr19:34287750-34306666	11.0925	10.8324	-0.0342388	0.987693
XLOC_010257	ATP9B	chr18:76829396-77138282	2.07051	2.02206	-0.0341591	0.990857
XLOC_022628	C9orf9	chr9:135754289-135765418	7.77052	7.58876	-0.0341476	0.992109
XLOC_002100	DDX59	chr1:200613164-200639126	4.96681	4.85069	-0.0341296	0.989365
XLOC_008733	SPATA2L	chr16:89753075-89768121	15.8361	15.4659	-0.0341243	0.99351
XLOC_002988	MICU1	chr10:74119697-74385949	31.6889	30.9492	-0.0340737	0.987693
XLOC_015537	SENP5	chr3:196594726-196661584	3.81353	3.72455	-0.0340621	0.988152
XLOC_002683	GSTO2	chr10:106028630-10605917	38.7209	37.8177	-0.0340538	0.988154
XLOC_013149	CCDC115	chr2:131095815-131099922	16.5626	16.1764	-0.0340309	0.988657
XLOC_007275	PAQR5	chr15:69591293-69699976	2.99166	2.92207	-0.0339582	0.988657
XLOC_006890	ABCD4	chr14:74751979-74769767	14.64	14.2995	-0.0339544	0.987693
XLOC_018545	SASH1	chr6:148663728-148873184	1.17726	1.1499	-0.033927	0.990857
XLOC_001916	ISG20L2	chr1:156692412-156697708	13.2795	12.9709	-0.0339201	0.987693
XLOC_020946	SNX13	chr7:17830384-17980131	2.65697	2.59524	-0.0339189	0.988166
XLOC_0017156	NLN	chr5:65018022-65125111	3.27393	3.19794	-0.0338783	0.987858
XLOC_004739	DDX47	chr12:12966279-12982915	32.4995	31.7458	-0.0338518	0.987693
XLOC_016384	THAP6	chr4:76439653-76455236	1.63403	1.59619	-0.0338014	0.990857
XLOC_003953	POLR2L	chr11:839720-842529	176.863	172.779	-0.0337032	0.987693
XLOC_007951	NOMO1	chr16:14927642-14990014	14.3676	14.0365	-0.0336349	0.987693
XLOC_022167	TATDN1	chr8:125487007-125551323	56.7056	55.4024	-0.0335446	0.992651
XLOC_012751	ANO7	chr2:242127923-242164797	2.60332	2.54349	-0.0335429	0.991459
XLOC_002441	FAM21B	chr10:47894022-47949417	1.041	1.01711	-0.0334949	0.991767
XLOC_017858	DND1	chr5:140044383-140053177	9.16218	8.95194	-0.0334908	0.99584
XLOC_022957	SLC35D2	chr9:99082987-99145992	26.2855	25.6825	-0.0334838	0.987693
XLOC_006982	CDC42BPB	chr14:103398715-10352374	9.65569	9.4348	-0.0333888	0.987693
XLOC_012049	HPCAL1	chr2:10443029-10567743	46.0406	44.9874	-0.0333858	0.988142
XLOC_017191	HEXB	chr5:73980968-74072737	70.2511	68.6442	-0.0333812	0.99351
XLOC_017931	PWWP2A	chr5:159502891-159546457	5.46732	5.34236	-0.0333564	0.989514
XLOC_001702	LAMTOR5	chr1:110943876-110950548	142.539	139.289	-0.0332727	0.987693
XLOC_016254	MED28	chr4:17616272-17626160	35.8611	35.0439	-0.0332588	0.987693
XLOC_021525	PTK2B	chr8:27168998-27316908	0.554616	0.542	-0.0331942	0.993379
XLOC_001794	SV2A	chr1:149874871-149889434	0.034494	0.0337097	-0.0331813	1
XLOC_006934	SMEK1	chr14:91923955-91976644	12.2693	11.9904	-0.0331632	0.987693
XLOC_008021	SH2B1	chr16:28875077-28885534	14.7278	14.3935	-0.0331302	0.988019
XLOC_021925	TRIM35	chr8:27142403-27168834	5.63388	5.50606	-0.0331076	0.989268
XLOC_002593	MARCH5	chr10:94050919-94113721	10.4312	10.1945	-0.0331074	0.987693
XLOC_012278	RNF181	chr2:85822836-85824831	179.814	175.748	-0.0329973	0.987693
XLOC_023897	SPIN2B	chrX:57146114-57147979	2.10136	2.05386	-0.0329865	0.99351
XLOC_000560	KIAA1324	chr1:109656584-109749402	0.156133	0.152605	-0.0329754	1
XLOC_000084	FBXO44	chr1:11708417-11723384	22.0872	21.5885	-0.0329513	0.987858
XLOC_009786	DKAKD	chr17:43100705-43138473	15.722	15.367	-0.0329421	0.989126

XLOC_012756	ING5	chr2:242641455-24266889f	3.23553	3.16252	-0.0329274	0.990324
XLOC_014470	GGT1	chr22:24979717-25024972	5.38098	5.25969	-0.0328905	0.992254
XLOC_009413	UBE2G1	chr17:4172511-4269969	11.4506	11.1933	-0.0327872	0.987693
XLOC_009764	DUSP3	chr17:41843488-41856368	21.9169	21.4277	-0.0325701	0.987858
XLOC_022317	ANXA2P2	chr9:33624222-33625532	4.03116	3.94129	-0.0325269	0.991767
XLOC_004560	CD3D	chr11:118209788-1182134f	0.0267077	0.0261125	-0.032513	1
XLOC_014497	NF2	chr22:29999544-30094589	8.72328	8.52891	-0.03251	0.988166
XLOC_004168	PAC3IN3	chr11:47199072-47208010	42.5623	41.6174	-0.0323877	0.987693
XLOC_015982	TFDP2	chr3:141663269-14186838f	3.14634	3.07662	-0.0323281	0.989268
XLOC_007387	AEN	chr15:89164526-89175512	29.578	28.9229	-0.0323104	0.987858
XLOC_020965	OSBPL3	chr7:24836163-25019760	1.54762	1.51343	-0.032233	0.990324
XLOC_010774	SCN1B	chr19:35521591-35531353	4.67454	4.57127	-0.032227	0.992797
XLOC_015544	LMLN	chr3:197687070-19777059f	0.416881	0.407682	-0.0321921	0.992797
XLOC_007537	TBTK2	chr15:43036541-43213007	0.367479	0.359371	-0.0321891	0.993379
XLOC_010097	MYL12A	chr18:3247527-3256234	371.242	363.065	-0.0321311	0.988166
XLOC_016207	TBC1D14	chr4:6911170-7059677	0.787705	0.770374	-0.0320964	0.997082
XLOC_017514	GRK6	chr5:176853686-17688328f	29.1127	28.4735	-0.0320286	0.990857
XLOC_018478	SMPDL3A	chr6:123109970-12313086f	1.51716	1.48411	-0.0317752	0.992797
XLOC_022906	AGTPBP1	chr9:88161453-88356944	4.99883	4.88998	-0.0317633	0.989869
XLOC_022522	ATP6V1G1	chr9:117349993-11736115f	103.359	101.109	-0.0317479	0.988154
XLOC_022704	WASH1	chr9:11986-29739	6.05873	5.92708	-0.031694	0.991767
XLOC_004327	RELA	chr11:65421066-65430443	61.2599	59.932	-0.0316161	0.988154
XLOC_008649	LOC100506060	chr16:70253483-70259936f	1.13288	1.10832	-0.031614	0.99351
XLOC_023043	PHF19	chr9:123617930-12363960f	91.7042	89.7218	-0.0315296	0.991459
XLOC_016408	COPS4	chr4:83956238-83996971	25.0647	24.5229	-0.0315228	0.988571
XLOC_003442	MADD	chr11:47290926-47351582f	6.53804	6.39692	-0.0314805	0.98922
XLOC_008909	MAPK7	chr17:19240866-19290532f	9.30476	9.10401	-0.031467	0.99351
XLOC_017072	MTRR	chr5:7869216-7901235	4.77699	4.67393	-0.0314637	0.990315
XLOC_018999	MAP3K7	chr6:91223291-91297020f	5.49284	5.37445	-0.0314362	0.989365
XLOC_008007	LCMT1	chr16:25123046-25189551f	39.8292	38.971	-0.0314249	0.988154
XLOC_013441	PER2	chr2:239152678-23919720f	2.18691	2.1398	-0.0314198	0.990857
XLOC_009456	CTDNBP1	chr17:7146905-7155259	117.235	114.71	-0.0314073	0.988467
XLOC_015781	ARHGEF3	chr3:56761445-57113336f	1.34907	1.32006	-0.0313622	0.991911
XLOC_011544	SUGP2	chr19:19101696-19144380f	7.79517	7.62757	-0.0313571	0.989344
XLOC_013690	UBE2C	chr20:44441254-44445596f	303.902	297.369	-0.0313537	0.988533
XLOC_005751	KDM2B	chr12:121866899-1220189f	9.16371	8.96675	-0.0313476	0.988657
XLOC_022716	RLN2	chr9:5299865-5304611	0.0623848	0.0610481	-0.0312485	1
XLOC_003366	PRMT3	chr11:20409075-20530879f	4.40552	4.31124	-0.0312092	0.990857
XLOC_022436	LOC100128361	chr9:95059639-95432547f	0.578172	0.565834	-0.03112	0.997036
XLOC_006001	CUL4A	chr13:113863085-1139193f	17.1339	16.7688	-0.0310782	0.987693
XLOC_015040	ZNF621	chr3:40566375-40581043f	2.47281	2.42011	-0.0310775	0.990315
XLOC_001364	SYF2	chr1:25548766-25559013f	36.9584	36.1711	-0.0310635	0.988176
XLOC_008409	TMEM186	chr16:8889036-8891505	13.0006	12.7241	-0.0310226	0.990324
XLOC_003656	ANKRD13D	chr11:67056761-67069955f	17.7132	17.3366	-0.0309998	0.989869
XLOC_005031	VEZT	chr12:95611521-95696566f	6.33988	6.20529	-0.0309562	0.988808
XLOC_008223	IST1	chr16:71928310-72033877f	24.7343	24.2095	-0.0309393	0.989268
XLOC_015485	POLR2H	chr3:184081193-18408636f	233.34	228.415	-0.0307731	0.989079
XLOC_019010	CCNC	chr6:99990262-100016690f	24.5921	24.0741	-0.0307163	0.988742
XLOC_007853	CRAMP1L	chr16:1664640-1727909f	2.18475	2.13874	-0.0307111	0.990857
XLOC_015491	SEN2	chr3:185304030-18534888f	7.03313	6.8862	-0.0304582	0.990324
XLOC_003722	DGAT2	chr11:75479777-75512581f	6.56428	6.42715	-0.030458	0.990921
XLOC_017775	TICAM2, TMED7, TMED7-TIC	chr5:114914338-11496187f	13.13	12.8557	-0.0304574	0.989365
XLOC_008703	COTL1	chr16:84599203-84651669f	249.998	244.793	-0.030353	0.989365
XLOC_023048	GGTA1P	chr9:124217318-12426230f	0.201031	0.196851	-0.0303101	1
XLOC_020741	ATP6V1F	chr7:128502856-12850590f	605.85	593.257	-0.0303022	0.989514
XLOC_016668	WDR1	chr4:10075962-10118573f	135.622	132.806	-0.0302707	0.989365
XLOC_006291	LRRC16B	chr14:24521205-24538937f	0.382659	0.374717	-0.0302571	0.994615
XLOC_001402	MECR	chr1:29519384-29557454f	14.9094	14.6008	-0.0301699	0.989748
XLOC_023997	RAB9B	chrX:103077254-10308721f	0.115286	0.112902	-0.0301549	1
XLOC_007641	VWA9	chr15:65871095-65903627f	29.0704	28.4691	-0.030154	0.989719
XLOC_021157	KRIT1	chr7:91828282-91875414f	4.38216	4.29186	-0.0300404	0.990324
XLOC_004441	CCDC90B	chr11:82972501-82997377f	19.8612	19.452	-0.0300307	0.990213
XLOC_007341	C15orf37	chr15:80135888-80217196f	2.21655	2.17089	-0.0300264	0.997036
XLOC_013869	SNX5	chr20:17922243-17949490f	42.9534	42.0692	-0.0300069	0.989344
XLOC_015891	GSK3B	chr3:119540801-11981326f	5.42525	5.31389	-0.0299227	0.989365
XLOC_018276	RNF8	chr6:37321747-37362514f	6.46895	6.33642	-0.0298637	0.990315
XLOC_002181	PTPN14	chr1:214522038-21472502f	1.55668	1.52479	-0.0298597	0.990324
XLOC_012691	ITM2C	chr2:231729620-23174396f	107.803	105.604	-0.0297362	0.989365
XLOC_012745	CAPN10	chr2:241526132-24153852f	11.6727	11.4346	-0.0297343	0.990857
XLOC_011252	TRIM28	chr19:59055835-59062082f	184.696	180.93	-0.029719	0.989344
XLOC_016184	GRK4	chr4:2965342-3042474f	0.420051	0.411491	-0.0297046	0.995343
XLOC_016455	AIMP1	chr4:106967232-10727038f	19.7883	19.3852	-0.0296917	0.989748
XLOC_007658	ITGA11	chr15:68594041-68724492f	0.00348954	0.00341852	-0.0296656	1
XLOC_008977	RHBDL3	chr17:30593194-30651680f	1.00767	0.987202	-0.0296026	0.993379
XLOC_009366	GEMIN4	chr17:647660-655501	19.6611	19.2622	-0.0295683	0.989421
XLOC_002214	SDE2	chr1:226170402-22618706f	4.0081	3.92684	-0.0295514	0.990857
XLOC_018030	PSMG4	chr6:3259161-3268300f	29.6435	29.0429	-0.0295315	0.990857
XLOC_005567	RPSAP52	chr12:66151799-66360071f	2.68574	2.63148	-0.0294444	0.997036
XLOC_015397	EIF2A	chr3:150264573-15030380f	19.5653	19.1705	-0.0294116	0.989268

XLOC_022684	MANNB1	chr9:139981378-140003633	43.3803	42.5052	-0.0293982	0.989278
XLOC_021353	MRPS33	chr7:140705960-140714781	29.83	29.2288	-0.0293703	0.990857
XLOC_000122	PLEKHM2	chr1:16010826-16061264	33.169	32.502	-0.0293068	0.989268
XLOC_004335	EIF1AD	chr11:65764015-65771617	11.1306	10.9069	-0.0292908	0.997036
XLOC_003655	ADRBK1	chr11:67033904-67054029	36.6502	35.914	-0.0292725	0.989869
XLOC_004376	ORA0V1	chr11:69480331-69490165	5.99001	5.87071	-0.0290232	0.991767
XLOC_012951	PPP3R1	chr2:68405988-68479651	12.4813	12.2331	-0.0289835	0.98972
XLOC_015373	ZBTB38	chr3:141043054-141168632	1.68887	1.6553	-0.0289606	0.990857
XLOC_014674	SLC25A1	chr22:19163087-19166338	164.599	161.337	-0.0288731	0.990324
XLOC_009665	PGAP3	chr17:37827374-37844310	1.78344	1.74815	-0.028832	0.99351
XLOC_020551	GTF2IRD1	chr7:73868119-74016920	21.7401	21.31	-0.0288312	0.98972
XLOC_022149	SAMD12	chr8:119201694-119738306	1.83896	1.80261	-0.0288051	0.990857
XLOC_016412	WDFY3-AS2	chr4:85887970-85928168	0.18373	0.180114	-0.0286749	1
XLOC_020701	C7orf53	chr7:112120907-112130943	0.519982	0.509757	-0.0286526	0.994938
XLOC_012612	FASTKD2	chr2:207630111-207660911	5.13155	5.03065	-0.0286502	0.989869
XLOC_012517	RAPGEF4	chr2:173587917-173917620	0.0644327	0.0631673	-0.0286158	1
XLOC_015337	ATP2C1	chr3:130569368-130745644	15.2381	14.9391	-0.0285834	0.990857
XLOC_003313	PFIFBP2	chr11:7534995-7674996	1.85878	1.8225	-0.0284399	0.992797
XLOC_016018	DHX36	chr3:153993456-154042286	5.87142	5.75685	-0.0284297	0.990371
XLOC_007145	BAHD1	chr15:40733410-40760441	11.0982	10.8817	-0.02842	0.990324
XLOC_004726	GABARAPL1	chr12:10365488-10375724	8.30809	8.14673	-0.0282954	0.991459
XLOC_010576	ICAM5	chr19:10400654-10407454	1.90783	1.87079	-0.0282839	0.99351
XLOC_008735	FANCA	chr16:89773540-89883065	7.14518	7.00647	-0.0282825	0.994929
XLOC_018391	TPBG	chr6:83072922-83077133	12.2295	11.9923	-0.0282659	0.990857
XLOC_000521	RWDD3, TMEM56, TMEM56	chr1:95558072-95712781	11.1369	10.9217	-0.0281536	0.993108
XLOC_018499	ENPP1	chr6:132129155-132216295	0.962682	0.944083	-0.0281455	0.991767
XLOC_014722	DDT	chr22:24309025-24322019	297.21	291.471	-0.0281324	0.989869
XLOC_020453	RALA	chr7:39663151-39747723	13.3164	13.0597	-0.0280886	0.990857
XLOC_002920	BMS1P1	chr10:48927373-48952629	0.100675	0.0987416	-0.0279759	1
XLOC_004638	B3GAT1	chr11:134248397-13428181	8.01262	7.85877	-0.0279712	0.990857
XLOC_021130	POMZP3	chr7:76178657-76257299	8.45198	8.28977	-0.0279568	0.994615
XLOC_017116	FBXO4	chr5:41925355-41941672	6.34756	6.22582	-0.0279399	0.991767
XLOC_013231	DLX2	chr2:172964165-172967478	2.13475	2.09383	-0.0279235	0.99451
XLOC_013283	STAT1	chr2:191833761-191878976	5.60051	5.49335	-0.0278721	0.990857
XLOC_003040	LIPA	chr10:90973325-91011660	12.9506	12.7035	-0.0278008	0.990324
XLOC_023600	XIAP	chrX:122993661-123047821	2.18873	2.14703	-0.0277462	0.990994
XLOC_003955	MUC6	chr11:1012823-1036706	0.0416702	0.0408775	-0.0277094	1
XLOC_000082	UBIAD1	chr1:11333254-11348491	10.2981	10.1024	-0.0276832	0.990324
XLOC_001037	PPP2R5A	chr1:212458878-212535201	11.5105	11.292	-0.0276558	0.98972
XLOC_005771	SBNO1	chr12:123773655-12383498	3.25313	3.19157	-0.0275631	0.990857
XLOC_009189	MSI2	chr17:55333930-55757299	5.91559	5.80371	-0.0275466	0.992939
XLOC_000575	AHCYL1	chr1:110527386-110566364	23.1978	22.7615	-0.0273955	0.990324
XLOC_000892	GAS5-AS1	chr1:173832385-173837121	0.697113	0.684044	-0.0273025	0.997535
XLOC_005988	COL4A2	chr13:110959630-11116537	0.00310518	0.00304699	-0.0272913	1
XLOC_005384	SLC2A13	chr12:40148822-40499661	0.471417	0.462597	-0.0272477	0.99351
XLOC_011524	NXNL1	chr19:17566233-17571725	0.0358033	0.0351344	-0.0272108	1
XLOC_000778	APOA1BP	chr1:156561557-156564091	148.716	145.94	-0.0271826	0.990564
XLOC_022792	UBAP2	chr9:33921690-34048947	6.008	5.89606	-0.0271332	0.990857
XLOC_010626	C19orf53	chr19:13885256-13889586	150.956	148.146	-0.0271033	0.990857
XLOC_000894	RABGAP1L	chr1:174128551-174964444	1.89846	1.86314	-0.0270927	0.994615
XLOC_022127	UBR5	chr8:103264501-103424917	6.07425	5.96151	-0.0270283	0.990315
XLOC_012624	CPS1	chr2:211342405-211543831	0.473136	0.464361	-0.0270076	0.99351
XLOC_004252	TMEM258	chr11:61556601-61560085	526.742	516.974	-0.027006	0.990324
XLOC_022222	TSTA3	chr8:144694787-144699732	179.47	176.143	-0.0270011	0.990857
XLOC_008193	PRMT7	chr16:68344876-68391169	11.6721	11.4559	-0.0269779	0.991459
XLOC_017856	CD14	chr5:140011312-140013286	0.0967867	0.0949973	-0.0269222	1
XLOC_022162	FBXO32	chr8:124510126-124553493	1.66997	1.6391	-0.0269202	0.991767
XLOC_013050	KANSL3	chr2:97258891-97304116	7.97873	7.83155	-0.0268608	0.990857
XLOC_001862	DENND4B	chr1:153901976-153919154	10.8302	10.6305	-0.0268541	0.990857
XLOC_008585	BBS2	chr16:56518258-56554008	12.314	12.0873	-0.0268053	0.990857
XLOC_023519	ARMCX4	chrX:100673250-100790971	0.26369	0.258848	-0.0267372	1
XLOC_007894	FLYWCH2	chr16:2933195-2949383	40.8974	40.1477	-0.0266908	0.991459
XLOC_010607	ZNF844	chr19:12175545-12188626	1.07041	1.05083	-0.0266631	0.99351
XLOC_010680	PGLS	chr19:17622431-17632097	132.546	130.124	-0.0266054	0.990795
XLOC_020709	CAPZA2	chr7:116502562-116559313	45.6606	44.8263	-0.026605	0.990371
XLOC_010831	KCNK6	chr19:38810483-38819649	11.1625	10.959	-0.0265421	0.991767
XLOC_004912	ORMDL2	chr12:56211805-56236767	24.6341	24.1851	-0.0265369	0.99441
XLOC_014671	DGCR2	chr22:19023794-19109967	18.2142	17.8824	-0.0265182	0.990994
XLOC_002766	LRRC27	chr10:134145613-13419501	3.0185	2.96354	-0.0265063	0.99358
XLOC_008247	GAN	chr16:81348570-81413803	0.235567	0.231282	-0.0264811	1
XLOC_020893	ADAP1	chr7:937536-994289	19.4396	19.0864	-0.0264557	0.991569
XLOC_017269	YTHDC2	chr5:112849390-112930984	2.08048	2.04272	-0.0264243	0.991767
XLOC_010344	EPG5	chr18:43427573-43547305	1.42762	1.40175	-0.0263798	0.991767
XLOC_001469	RRAGC	chr1:39303868-39325495	13.328	13.0866	-0.0263651	0.990857
XLOC_020388	SP4	chr7:21467688-21554151	0.609873	0.598832	-0.0263594	0.99351
XLOC_010430	C19orf21	chr19:751145-764318	0.36365	0.357073	-0.0263295	0.997036
XLOC_002767	PWWP2B	chr10:134210701-13423131	22.2684	21.8659	-0.0263167	0.991767
XLOC_013902	NINL	chr20:25433337-25566153	1.93448	1.89952	-0.0263063	0.993108
XLOC_013391	WDFY1	chr2:224740064-224810052	4.40739	4.32811	-0.0261877	0.991767

XLOC_017066	KIAA0947	chr5:5422785-5490347	2.79252	2.74246	-0.0260971	0.991767
XLOC_003908	FAM118B	chr11:126081618-12613887	6.1399	6.02998	-0.0260605	0.996453
XLOC_011729	ZNF428	chr19:44111375-44124014	12.0454	11.83	-0.026039	0.993379
XLOC_001439	ZMYM6	chr1:35451766-35497569	1.76209	1.73061	-0.0260039	0.992797
XLOC_004814	TMEM106C	chr12:48357329-48362661	111.975	109.981	-0.0259164	0.990994
XLOC_001199	DVL1	chr1:1270657-1284492	68.6427	67.4216	-0.0258948	0.990857
XLOC_000390	RNF11	chr1:51701944-51739119	17.0396	16.7368	-0.0258724	0.991459
XLOC_000126	SPEN	chr1:16160709-16266950	3.36871	3.30901	-0.0257968	0.991767
XLOC_008837	CHD3	chr17:7788122-7816075	12.9075	12.6791	-0.0257499	0.990857
XLOC_004655	TULP3	chr12:3000032-3050306	9.21856	9.05555	-0.0257405	0.990857
XLOC_021352	BRAF	chr7:140433812-140624564	2.05203	2.01576	-0.0257294	0.993379
XLOC_008513	LOC440354,LOC595101	chr16:30278913-30346695	1.97086	1.93602	-0.0257265	0.99316
XLOC_010935	RELB	chr19:45504706-45541456	14.269	14.0169	-0.0257143	0.991767
XLOC_021673	FAM92A1	chr8:94712772-94740671	32.7896	32.2118	-0.0256491	0.991459
XLOC_012912	PSME4	chr2:54091203-54197977	9.41781	9.25205	-0.0256178	0.990857
XLOC_013105	ANAPC1	chr2:112525213-112641747	6.57897	6.4633	-0.0255903	0.990857
XLOC_004399	RAB6A	chr11:73386682-73472201	20.9129	20.546	-0.0255369	0.991459
XLOC_006420	SRSF5	chr14:70232999-70238722	72.82	71.5459	-0.025465	0.990857
XLOC_008532	ZNF668	chr16:31072163-31085641	8.84477	8.69074	-0.0253454	0.99316
XLOC_014474	KIAA1671	chr22:25423940-25593415	1.94031	1.90655	-0.0253241	0.991767
XLOC_018307	KLC4	chr6:43027371-43042833	5.43251	5.338	-0.0253214	0.992841
XLOC_012623	RPE	chr2:210867351-211036057	6.18698	6.07936	-0.0253156	0.99451
XLOC_004630	ADAMTS8	chr11:130274817-13029853	0.00633366	0.0062236	-0.0252915	1
XLOC_011939	LENG1	chr19:54641435-54663446	13.5085	13.274	-0.0252647	0.996453
XLOC_015579	RAF1	chr3:12598512-12705700	20.5423	20.1867	-0.0251924	0.992797
XLOC_005519	RNF41	chr12:56596287-56615753	10.7636	10.5774	-0.0251673	0.991767
XLOC_003378	METTL15	chr11:28129797-28355054	2.98308	2.93159	-0.0251184	0.991767
XLOC_004971	HMGA2	chr12:66151799-66360071	20.7544	20.3973	-0.0250381	0.99351
XLOC_015107	APEH	chr3:49711434-49720934	99.455	97.7475	-0.0249839	0.991767
XLOC_003599	PPP2R5B	chr11:64692142-64703360	17.7563	17.4518	-0.0249521	0.99183
XLOC_021503	PPP3CC	chr8:22298482-22398657	0.0622857	0.0612182	-0.0249413	1
XLOC_022583	SWI5	chr9:131038424-131051268	39.0612	38.392	-0.0249308	0.991767
XLOC_000210	ARID1A	chr1:27022521-27108601	4.87456	4.79138	-0.0248311	0.991767
XLOC_014914	RABL2B	chr22:51195513-51238065	5.73211	5.63438	-0.0248104	0.99351
XLOC_010821	ZNF383	chr19:37717365-37734574	2.07577	2.04039	-0.0247996	0.993519
XLOC_000039	PRDM16	chr1:2985741-3355185	1.46676	1.44183	-0.02473	0.992797
XLOC_018142	ZSCAN26	chr6:28234787-28245980	5.60461	5.50952	-0.024689	0.992651
XLOC_020535	LOC100093631	chr7:72569011-72621336	0.385201	0.378684	-0.0246151	0.9953
XLOC_022496	TMEM38B	chr9:108456805-108538892	11.5963	11.4001	-0.0246094	0.991767
XLOC_011747	ZNF296	chr19:45574757-45579688	22.5324	22.1514	-0.0246019	0.991938
XLOC_011097	ZNF525	chr19:53868967-53889841	1.04983	1.03208	-0.0245968	0.993379
XLOC_001570	USP24	chr1:55532031-55681039	3.25757	3.20264	-0.0245332	0.991459
XLOC_013562	GZF1	chr20:23345020-23353683	2.47051	2.42896	-0.0244731	0.992797
XLOC_018387	SH3BGRL2	chr6:80340999-80413369	1.69022	1.66181	-0.0244563	0.993379
XLOC_014629	GTSF1	chr22:46692637-46726707	10.4061	10.2317	-0.0243861	0.991767
XLOC_012158	DYNC2L1	chr2:44001177-44037149	10.6135	10.4357	-0.0243736	0.992797
XLOC_007865	GFER	chr16:2034149-2037750	29.3987	28.9064	-0.0243638	0.991767
XLOC_002076	TRMT1L	chr1:185087217-185260913	3.34421	3.28832	-0.0243133	0.993379
XLOC_008444	ARL6IP1	chr16:18802990-18812857	67.9192	66.7867	-0.024259	0.991767
XLOC_001732	CSDE1,NRAS	chr1:115247084-115300677	35.8516	35.254	-0.024251	0.991767
XLOC_002255	RBM34	chr1:235294497-235324577	22.7383	22.3593	-0.0242491	0.991767
XLOC_011783	PRKD2	chr19:47150868-47220384	17.7185	17.4239	-0.0241932	0.991767
XLOC_008609	DYNC1L12	chr16:66754798-66785525	8.08633	7.95211	-0.0241464	0.991767
XLOC_012273	ELMOD3	chr2:85581842-85618875	4.15031	4.08144	-0.0241422	0.99351
XLOC_003677	CCND1	chr11:69455872-69469242	26.3213	25.8854	-0.0240965	0.991767
XLOC_006057	KATNAL1	chr13:30776766-30881624	0.349577	0.343794	-0.0240688	0.99451
XLOC_008016	SBK1	chr16:28303839-28335170	4.29547	4.22448	-0.024044	0.993379
XLOC_006997	JAG2	chr14:105607317-10563516	17.0241	16.743	-0.0240224	0.991767
XLOC_005193	SFSWAP	chr12:132195631-13228428	9.07897	8.92933	-0.0239769	0.991767
XLOC_010005	CYTH1	chr17:76670129-76778376	4.73335	4.65551	-0.023922	0.993108
XLOC_001639	CCBL2,RBML1	chr1:89401455-89458643	15.5305	15.2758	-0.0238583	0.992939
XLOC_022309	ACO1	chr9:32384600-32450832	15.0091	14.7632	-0.0238293	0.991767
XLOC_023772	CTPS2	chrX:16606121-16731059	3.95499	3.89054	-0.0237044	0.993108
XLOC_001665	ALG1	chr1:95448278-95538507	6.58515	6.47827	-0.0236076	0.99351
XLOC_018041	SNRNP48	chr6:7590431-7612200	4.07076	4.00487	-0.023542	0.992806
XLOC_006413	RAD51B	chr14:68286495-69062738	5.59275	5.50228	-0.0235273	0.99351
XLOC_004355	CORO1B	chr11:67205517-67211292	124.351	122.346	-0.0234537	0.991767
XLOC_022646	RXRα	chr9:137218315-137332437	15.7699	15.5162	-0.0233993	0.991767
XLOC_014960	TPRXL	chr3:13978806-14107481	0.00901413	0.00886913	-0.0233955	1
XLOC_008362	ECI1	chr16:2289872-2301602	151.148	148.717	-0.0233903	0.991767
XLOC_001044	VASH2	chr1:213123886-213164927	0.48511	0.477328	-0.0233305	0.994615
XLOC_023159	C9orf69	chr9:139006426-139010737	43.0683	42.3785	-0.0232932	0.991767
XLOC_014482	ASPHD2	chr22:26825279-26840978	3.8762	3.81415	-0.0232821	0.993379
XLOC_005961	MBNL2	chr13:97874549-98046374	3.23706	3.18535	-0.023232	0.993379
XLOC_018248	HMGA1	chr6:34204576-34214008	1135.4	1117.31	-0.0231647	0.992797
XLOC_001564	CYB5RL	chr1:54638026-54665746	0.508512	0.500419	-0.023146	0.995957
XLOC_021864	FAM167A	chr8:11197145-11324276	0.99619	0.981067	-0.0231244	0.994615
XLOC_007640	DPP8	chr15:65737997-65810035	0.903985	0.889615	-0.0231177	0.99451
XLOC_012509	DCAF17	chr2:172173912-172341562	1.73635	1.70888	-0.0230007	0.995957

XLOC_003650	LRFN4	chr11:66615996-66725847	42.3197	41.6529	-0.0229113	0.992797
XLOC_000393	ZFYVE9	chr1:52608045-52812358	2.78946	2.74556	-0.0228845	0.992797
XLOC_003600	ARL2,SNX15	chr11:64781584-64808044	165.876	163.265	-0.0228881	0.991767
XLOC_000223	PPP1R8	chr1:28157251-28178183	20.5792	20.2563	-0.0228155	0.991767
XLOC_001630	C1orf52	chr1:85715636-85725355	15.4749	15.2327	-0.0227581	0.991767
XLOC_016088	CAMK2N2	chr3:183967444-184010811	62.2835	61.3099	-0.0227301	0.99351
XLOC_009773	ATXN7L3	chr17:42269172-42275529	16.8229	16.56	-0.0227205	0.992797
XLOC_000016	B3GALT6	chr1:1167628-1170420	14.2973	14.074	-0.0227159	0.992939
XLOC_006939	ATXN3	chr14:92524895-92572965	1.76105	1.73356	-0.0226985	0.993108
XLOC_008019	EIF3C,EIF3CL	chr16:28699878-28747053	1.21646	1.19747	-0.0226978	0.994615
XLOC_017543	C5orf55	chr5:441642-443258	3.14481	3.09581	-0.022657	0.994615
XLOC_012449	R3HDM1	chr2:136289082-136482831	4.24626	4.18049	-0.0225223	0.992797
XLOC_004085	COPB1	chr11:14479048-14521441	21.1511	20.8257	-0.0223695	0.991938
XLOC_003800	ACAT1	chr11:107992257-10801881	50.0523	49.2823	-0.0223665	0.991767
XLOC_003178	FAM53B	chr10:126307862-12643291	6.5313	6.43095	-0.0223363	0.992797
XLOC_004123	LIN7C	chr11:27515964-27528326	5.84706	5.75786	-0.0221788	0.992797
XLOC_022813	STOML2	chr9:35099888-35103154	300.611	296.027	-0.0221713	0.992272
XLOC_015105	DAG1	chr3:49506135-49573051	11.4061	11.2324	-0.0221433	0.992797
XLOC_015597	ANKRD28	chr3:15708743-15901053	4.00686	3.94589	-0.0221224	0.992797
XLOC_021666	DECR1	chr8:91013579-91064227	117.739	115.947	-0.0221176	0.991902
XLOC_005541	STAT6	chr12:57482676-57505196	32.8863	32.3862	-0.0221082	0.994615
XLOC_008884	MPRIP	chr17:16946073-17095962	7.92973	7.80952	-0.0220376	0.992797
XLOC_008716	ZCCHC14	chr16:87439851-87525460	2.63453	2.59469	-0.021981	0.993379
XLOC_003200	STK32C	chr10:134020995-13412147	9.34744	9.2067	-0.0218869	0.99351
XLOC_013837	CENPB	chr20:3764497-3767337	41.6546	41.0288	-0.0218393	0.99316
XLOC_009224	DCAF7	chr17:61627795-61671642	28.9921	28.5565	-0.0218384	0.994615
XLOC_017203	AGGF1	chr5:76326209-76361058	4.16241	4.09993	-0.0218184	0.993379
XLOC_018342	C6orf141	chr6:49518112-49519808	1.53943	1.51635	-0.0217917	0.996079
XLOC_006390	SNAPC1	chr14:62229074-62263146	5.78674	5.7002	-0.0217374	0.993379
XLOC_011481	ASF1B	chr19:14230320-14247440	36.2738	35.733	-0.0216707	0.992797
XLOC_014795	MYH9	chr22:36677322-36784063	63.0108	62.0736	-0.0216188	0.992797
XLOC_022123	YWHAZ	chr8:101930803-101965621	248.299	244.61	-0.0215955	0.992797
XLOC_022653	PPP1R26	chr9:138371647-138380731	16.8661	16.6158	-0.0215728	0.99192
XLOC_018375	OGFRL1	chr6:71998476-72011973	14.2921	14.0804	-0.0215217	0.993379
XLOC_008192	SLC7A6	chr16:68298418-68344868	4.97883	4.90514	-0.0215125	0.99351
XLOC_015025	EXOG	chr3:38537762-38567796	3.60026	3.54704	-0.0214825	0.99351
XLOC_000961	GPR25	chr1:200842082-200843301	0.0488791	0.0481576	-0.0214533	1
XLOC_023022	WDR31	chr9:116077930-116102621	0.347902	0.342767	-0.0214524	0.997036
XLOC_008849	NDEL1	chr17:8339169-8371495	5.1776	5.1012	-0.0214481	0.99351
XLOC_009626	CCL5	chr17:34198495-34207377	1.3559	1.33591	-0.0214227	0.995528
XLOC_006170	SPRY2	chr13:80910111-80915086	6.74262	6.64356	-0.0213513	0.99351
XLOC_001238	GPR153	chr1:6307405-6321035	5.82332	5.73785	-0.0213309	0.99351
XLOC_014851	PMM1	chr22:41972889-41985871	60.8508	59.9609	-0.0212545	0.992109
XLOC_017194	POLK	chr5:74666927-74895646	1.33066	1.3112	-0.0212542	0.997036
XLOC_002411	LOC399744	chr10:38717073-38741081	2.048	2.01813	-0.0211917	0.994615
XLOC_016643	LRPAP1	chr4:3505323-3534224	16.3261	16.0883	-0.0211652	0.992797
XLOC_011343	DUS3L	chr19:5785152-5791249	41.6541	41.0483	-0.0211359	0.993379
XLOC_000023	VWA1	chr1:1370902-1378262	4.6275	4.56037	-0.0210816	0.99351
XLOC_000252	CCDC28B	chr1:32666201-32670991	9.52615	9.38822	-0.0210425	0.994615
XLOC_003831	RBM7	chr11:114271383-11427961	11.2736	11.1104	-0.021042	0.993379
XLOC_020639	COP56	chr7:99686582-99689822	163.254	160.896	-0.0209968	0.992797
XLOC_012271	KCMF1	chr2:85198230-85286595	10.3319	10.1831	-0.0209207	0.993379
XLOC_002673	CNNM2	chr10:104678074-10483831	3.36865	3.32022	-0.0208898	0.994615
XLOC_013257	FKBP7	chr2:179059207-179672151	1.45537	1.43445	-0.0208891	0.99714
XLOC_006182	TGDS	chr13:95226307-95248511	5.57469	5.49456	-0.0208868	0.99351
XLOC_014669	GGT3P	chr22:18761201-18779474	0.166987	0.164587	-0.0208801	1
XLOC_021269	TMEM168	chr7:112405786-112430471	4.07324	4.01482	-0.0208388	0.99351
XLOC_022577	FPGS	chr9:130565153-130576551	127.927	126.092	-0.0208374	0.993108
XLOC_015447	RNDC3B	chr3:171757417-172118491	1.99322	1.96468	-0.0208081	0.99351
XLOC_006492	CPSF2	chr14:92588297-92630543	6.47431	6.38209	-0.020697	0.993379
XLOC_010144	GATA6	chr18:19749403-19782491	2.979	2.93668	-0.0206412	0.99441
XLOC_009104	RUNDC3A	chr17:42385926-42396038	0.992981	0.978893	-0.0206141	0.99634
XLOC_014631	GRAMD4	chr22:47022657-47075688	9.04856	8.92029	-0.0205966	0.993379
XLOC_009460	NEURL4	chr17:7218950-7232638	3.44523	3.3964	-0.0205939	0.99351
XLOC_017928	RNF145	chr5:158584416-158637061	28.4327	28.0301	-0.0205734	0.99316
XLOC_021207	GAL3ST4	chr7:99756864-99766373	0.287936	0.28386	-0.0205688	1
XLOC_015624	GLB1,TMPPE	chr3:33038099-33138694	33.0451	32.578	-0.0205395	0.992797
XLOC_010976	SEPW1	chr19:48281841-48287943	196.475	193.7	-0.0205218	0.99316
XLOC_003639	RAB1B	chr11:66036055-66044963	164.244	161.94	-0.0203885	0.993379
XLOC_012792	E2F6	chr2:11584500-11606297	7.88011	7.76995	-0.0203117	0.993379
XLOC_018486	HINT3	chr6:126277860-126301381	6.14852	6.06264	-0.0202929	0.99351
XLOC_018223	RNF5	chr6:32146161-32148570	70.6837	69.6966	-0.0202902	0.99351
XLOC_008445	SMG1	chr16:18816174-18937726	2.3642	2.33128	-0.0202263	0.993108
XLOC_022017	ARMC1	chr8:66514690-66546452	11.101	10.9466	-0.0202016	0.993379
XLOC_009851	SPA69	chr17:49039534-49198226	3.64296	3.59239	-0.0201695	0.993379
XLOC_020630	ZNF789	chr7:99070514-99085217	3.56179	3.51236	-0.0201604	0.995957
XLOC_019096	HBS1L	chr6:135281516-135376031	4.88147	4.81376	-0.0201506	0.99351
XLOC_014393	CECR7	chr22:17517459-17539682	1.11966	1.1042	-0.0200619	0.996079
XLOC_017378	PCDH9B	chr5:140566892-140571111	0.388103	0.382773	-0.019951	0.996014

XLOC_018462	RWDD1	chr6:116892582-11691443	39.0073	38.4727	-0.0199115	0.993379
XLOC_002742	ACADSB	chr10:124768428-1248178	2.24089	2.21024	-0.0198734	0.99351
XLOC_014763	RNF215	chr22:30774802-30783302	18.1253	17.8786	-0.0197669	0.99351
XLOC_015119	HEMK1	chr3:50595455-50622421	4.83066	4.76499	-0.0197469	0.994615
XLOC_009723	KRT19	chr17:39679868-39684641	0.0187921	0.0185368	-0.0197289	1
XLOC_004628	PRDM10	chr11:129769600-1298753	1.17841	1.16246	-0.0196675	0.994615
XLOC_013301	TYW5	chr2:200793633-20082884	1.74578	1.72218	-0.0196406	0.996079
XLOC_007241	TPM1	chr15:63334837-63364113	50.6968	50.0183	-0.019439	0.993379
XLOC_002215	ACBD3	chr1:226332379-22637442	7.8759	7.77064	-0.0194116	0.99351
XLOC_003865	CBL	chr11:119076985-1191788	3.23056	3.18747	-0.0193753	0.993379
XLOC_015355	PCCB	chr3:135969166-13604901	74.8656	73.87	-0.0193143	0.993379
XLOC_003989	NUP98	chr11:3696239-3847601	7.6855	7.58344	-0.019287	0.994615
XLOC_021349	MKRN1	chr7:140152839-14017936	45.6168	45.0111	-0.0192865	0.99351
XLOC_0021159	FAM133B	chr7:92190071-92219706	13.244	13.0683	-0.0192748	0.99351
XLOC_000868	BLZF1	chr1:169337193-16939667	1.10826	1.0937	-0.0190758	0.996096
XLOC_014124	BACH1	chr21:30671219-30734217	2.62789	2.59344	-0.0190399	0.993651
XLOC_013654	ACTR5	chr20:37377096-37401089	5.14482	5.0776	-0.0189733	0.994615
XLOC_000812	PEA15	chr1:160175124-16018516	102.525	101.19	-0.0189096	0.993379
XLOC_016504	PHF17	chr4:129730778-12979637	7.30556	7.21074	-0.0188473	0.99351
XLOC_011804	CARD8	chr19:48711342-48761450	2.73461	2.69916	-0.0188239	0.997036
XLOC_006003	TMCO3	chr13:114145307-1142045	9.54607	9.42252	-0.0187933	0.99351
XLOC_002459	FAM21A,FAM21B	chr10:51827683-51893269	1.82901	1.80535	-0.0187822	0.994615
XLOC_002327	NET1	chr10:5454513-5501019	7.72256	7.62309	-0.0187046	0.99351
XLOC_009247	LINC00674	chr17:66097695-66132070	2.55722	2.52445	-0.0186807	0.99351
XLOC_007189	SORD	chr15:45315301-45367287	40.7593	40.2371	-0.0186058	0.993379
XLOC_004564	DDX6	chr11:118618472-1186619	12.2092	12.0535	-0.0185109	0.99351
XLOC_022581	C9orf16	chr9:130922538-13092620	369.857	365.151	-0.0184733	0.99351
XLOC_013667	LOC100505783	chr20:42839599-42854667	1.24203	1.22625	-0.018451	0.996453
XLOC_008286	CTU2	chr16:88772890-88851372	17.3819	17.1613	-0.0184295	0.997036
XLOC_020768	AGBL3	chr7:134671258-13482053	0.0820365	0.0809968	-0.018401	1
XLOC_014241	NRIP1	chr21:16333555-16437126	0.50893	0.502494	-0.0183608	0.995515
XLOC_013082	TGFBRAP1	chr2:105883539-10594614	1.41047	1.39272	-0.0182703	0.996079
XLOC_014864	RRP7B	chr22:42949924-42978017	4.81944	4.75884	-0.0182548	0.994615
XLOC_004037	TAF10	chr11:6624963-6633475	136.933	135.213	-0.0182409	0.997036
XLOC_009375	PITPNA	chr17:1420212-1466110	16.4203	16.2149	-0.0181619	0.99351
XLOC_018229	PSMB9	chr6:32821937-32827628	14.3712	14.1915	-0.0181505	0.994615
XLOC_014445	LOC96610	chr22:22652462-22677324	2.61795	2.58523	-0.0181487	0.995481
XLOC_015322	ACAD9	chr3:128598332-12863195	12.3203	12.1663	-0.0181427	0.99351
XLOC_002258	DOCK8	chr9:213107-465259	0.421154	0.415903	-0.0181029	0.996453
XLOC_005214	SLC6A13	chr12:329786-372039	0.663615	0.655344	-0.0180944	0.997036
XLOC_015836	MINA	chr3:97540883-97691295	7.89867	7.80024	-0.0180895	0.99358
XLOC_007306	LMAN1L	chr15:75105193-75118099	0.0137071	0.0135363	-0.0180872	1
XLOC_005163	OGFOD2	chr12:123459353-1234645	8.9342	8.82331	-0.0180196	0.994615
XLOC_015469	YEATS2	chr3:183415605-18353041	12.0954	11.9455	-0.0179915	0.99351
XLOC_002662	GBF1	chr10:104005254-1041426	6.30318	6.22511	-0.0179824	0.99351
XLOC_012888	OXER1	chr2:42989638-42991401	0.0152288	0.0150404	-0.0179587	1
XLOC_016883	PAPSS1	chr4:108534821-10864141	15.2611	15.0728	-0.0179093	0.99351
XLOC_020659	SLC12A9	chr7:100450340-10046463	25.4952	25.1807	-0.017909	0.99351
XLOC_024046	LAMP2	chrX:119560002-11960320	12.9878	12.8277	-0.0178896	0.99351
XLOC_001443	C1orf216	chr1:36179476-36184790	8.20202	8.10107	-0.0178668	0.99351
XLOC_022198	PTK2	chr8:141668480-14201141	26.3508	26.0269	-0.0178408	0.99351
XLOC_010050	NOTUM	chr17:79910382-79919057	4.23598	4.18436	-0.0176915	0.995957
XLOC_013025	CHMP3,RNF103,RNF103-Cl	chr2:86730552-87005164	23.0774	22.7969	-0.0176435	0.994615
XLOC_021345	HIPK2	chr7:139246315-13947769	1.68765	1.66714	-0.0176376	0.99451
XLOC_015749	DUSP7	chr3:52082936-52090461	26.2065	25.8881	-0.0176348	0.99351
XLOC_022171	FAM84B	chr8:127564682-12757071	6.50604	6.42703	-0.0176283	0.993589
XLOC_016472	LARP7	chr4:113460488-11357874	8.25564	8.15568	-0.017575	0.994615
XLOC_015187	PPP4R2	chr3:73046118-73115011	3.87726	3.83046	-0.0175169	0.995302
XLOC_017222	ATP6AP1L	chr5:81601165-81614147	1.01949	1.00721	-0.0174751	0.997036
XLOC_021559	ADAM9	chr8:38854504-38962779	10.6023	10.4754	-0.0173815	0.99351
XLOC_017521	RMND5B	chr5:177558027-1775547	19.7381	19.502	-0.0173547	0.994039
XLOC_005614	KITLG	chr12:88886569-88974250	0.151003	0.149201	-0.0173183	1
XLOC_003736	LOC100506233	chr11:82783107-82784754	4.4239	4.37139	-0.017227	0.996079
XLOC_016703	ARAP2	chr4:36067619-36245979	0.600239	0.593115	-0.0172265	0.995957
XLOC_012600	ABI2	chr2:204193002-20429689	8.30508	8.20677	-0.017179	0.99351
XLOC_009382	SMYD4	chr17:1682828-1733175	2.06745	2.04299	-0.0171705	0.994978
XLOC_017019	RWDD4	chr4:184560788-18458033	9.22501	9.11631	-0.0170999	0.994039
XLOC_018642	MAK	chr6:10762955-10838788	0.0733312	0.0724725	-0.0169925	1
XLOC_009175	NME1,NME1-NME2,NME2	chr17:49230896-49249105	1797.26	1776.35	-0.0168832	0.99451
XLOC_009163	XYLT2	chr17:48423392-48438512	16.6037	16.4106	-0.0168712	0.99451
XLOC_015140	STAB1	chr3:52529355-52569093	0.00289841	0.00286491	-0.0167749	1
XLOC_006905	ANGEL1	chr14:77253585-77279283	6.71541	6.63786	-0.0167578	0.994615
XLOC_017777	ATG12	chr5:115163893-11517754	10.0203	9.9054	-0.0166356	0.99358
XLOC_013973	CHD6	chr20:40031169-40247133	1.1869	1.17331	-0.0166115	0.994737
XLOC_016036	IFT80	chr3:159974773-16011732	2.08651	2.06271	-0.0165502	0.995302
XLOC_009622	PEX12	chr17:33901813-33905656	1.32613	1.31108	-0.0164684	0.996453
XLOC_017445	CYFIP2	chr5:156693090-15682260	9.86084	9.74957	-0.0163718	0.99358
XLOC_013505	ATRN	chr20:3451664-3631769	3.57716	3.53702	-0.0162809	0.99492
XLOC_018627	ECI2	chr6:4068592-4135831	33.9295	33.5519	-0.0161455	0.994615

XLOC_013373	CNPPD1	chr2:220036618-220041702	46.2209	45.7069	-0.0161333	0.99451
XLOC_006931	RPS6KA5	chr14:91337166-91526993	0.332339	0.328663	-0.0160442	1
XLOC_011761	SNRPD2	chr19:46190711-46195443	614.759	607.991	-0.0159707	0.994615
XLOC_017439	CNOT8	chr5:154238197-154256352	27.6083	27.3047	-0.0159507	0.994615
XLOC_023521	ARMCX3	chrX:100878119-100882832	8.42618	8.33363	-0.0159337	0.994615
XLOC_009928	HELMX	chr17:65066553-65241319	1.89994	1.87908	-0.0159269	0.994615
XLOC_021216	LRC4	chr7:100171633-100183776	12.0425	11.9104	-0.0159203	0.994615
XLOC_012867	STRN	chr2:37064840-37193615	1.0173	1.00617	-0.0158668	0.994978
XLOC_000413	BSND	chr1:55464616-55474465	0.014886	0.0147237	-0.0158184	1
XLOC_009584	FLOT2	chr17:27206356-27224715	36.8297	36.4288	-0.0157917	0.99449
XLOC_018609	EXOC2	chr6:485137-693141	4.17042	4.12509	-0.0157665	0.994615
XLOC_014373	PTTG1IP	chr21:46269499-46293818	85.1077	84.185	-0.0157268	0.994615
XLOC_002227	TRIM11	chr1:228581376-228594517	20.7431	20.5191	-0.0156628	0.994615
XLOC_002756	DOCK1	chr10:128594022-12925078	5.58398	5.52381	-0.0156306	0.994615
XLOC_012762	FAM110C	chr2:38813-46588	1.32816	1.31386	-0.0156236	0.996079
XLOC_022810	VCP	chr9:35056064-35072739	57.5359	56.9188	-0.0155574	0.994615
XLOC_002444	AGAP9	chr10:48215723-48237508	0.123712	0.122387	-0.0155345	1
XLOC_021086	GUSB	chr7:65425672-65447301	27.8921	27.5951	-0.0154421	0.994615
XLOC_006236	RASA3	chr13:114747193-11489808	13.391	13.2489	-0.0153855	0.994615
XLOC_006757	HEATR5A	chr14:31760993-31889788	0.725191	0.717518	-0.015346	0.996284
XLOC_010897	MEGF8	chr19:42829760-42882921	1.39812	1.3834	-0.0152654	0.995528
XLOC_012139	NAPEPLD	chr7:102715327-102789566	2.21591	2.1926	-0.0152595	0.99714
XLOC_022829	GNE	chr9:36214438-36277053	2.19146	2.16845	-0.0152302	0.995957
XLOC_002622	PGAM1	chr10:99186026-99193198	495.595	490.422	-0.0151365	0.994615
XLOC_009952	CD300C	chr17:72537204-72542310	0.0128593	0.0127255	-0.0150921	1
XLOC_020682	PMPCB	chr7:102937872-102985320	27.427	27.1417	-0.0150835	0.996079
XLOC_009331	CHMP6	chr17:78965640-78973933	14.9873	14.8315	-0.0150754	0.995957
XLOC_013787	SLC244RG	chr20:62371210-62436856	57.8338	57.2329	-0.0150674	0.995221
XLOC_015780	FAM208A	chr3:56591183-56717135	4.72256	4.67373	-0.0149943	0.995302
XLOC_005894	SETDB2	chr13:50018428-50069139	1.08401	1.07822	-0.0149602	0.996079
XLOC_013234	SP3	chr2:174771186-174830430	5.72336	5.66444	-0.0149294	0.994615
XLOC_010569	P2RY11,PPAN,PPAN-P2RY	chr19:10216898-10230599	44.1534	43.6995	-0.0149075	0.997082
XLOC_006802	CDKL1	chr14:50796719-50862617	0.926537	0.917048	-0.0148515	0.99714
XLOC_017485	ATP6V0E1	chr5:172410762-172461900	215.567	213.362	-0.0148341	0.994615
XLOC_003251	MRPL23	chr11:1968501-1977839	112.846	111.7	-0.0147275	0.994615
XLOC_022249	ARHGAP39	chr8:145754562-145838888	5.40177	5.34696	-0.0147145	0.995957
XLOC_008279	BANP	chr16:87985037-88110924	6.13372	6.07157	-0.0146909	0.996079
XLOC_020868	PRKAG2-AS1	chr7:151253200-151576308	18.7049	18.5161	-0.014636	0.997036
XLOC_015886	B4GALT4	chr3:118930588-118959752	5.46653	5.41141	-0.0146195	0.996014
XLOC_012153	PKDCC	chr2:42275160-42285668	7.21653	7.14397	-0.014579	0.995957
XLOC_015438	MYNN	chr3:169490852-169507504	2.33504	2.31161	-0.0145462	0.995957
XLOC_009671	NR1D1	chr17:38218445-38256978	8.08916	8.00804	-0.0145405	0.997036
XLOC_007401	NGRN	chr15:90808894-90815443	62.6661	62.0386	-0.0145199	0.994615
XLOC_013093	SEPT10	chr2:110300373-110371782	15.11	14.9593	-0.0144561	0.994615
XLOC_005543	STAC3	chr12:57637241-57644969	0.691408	0.684519	-0.0144466	0.99714
XLOC_014413	TANGO2	chr22:20008630-20053447	11.2285	11.1167	-0.014442	0.995302
XLOC_003743	C11orf73	chr11:86013252-86056985	29.1813	28.8919	-0.0143776	0.995309
XLOC_020603	GATAD1	chr7:92076761-92089381	13.602	13.4671	-0.0143691	0.994711
XLOC_005097	FAM216A	chr12:110890290-11092818	31.1451	30.8364	-0.0143683	0.996453
XLOC_018254	ZNF76	chr6:35227509-35263760	9.51964	9.42548	-0.0143413	0.995318
XLOC_002180	ANGEL2	chr1:213165523-213189168	5.18608	5.13482	-0.0143323	0.995515
XLOC_001615	ZZZ3	chr1:78030189-78148343	3.077	3.04669	-0.0142815	0.995957
XLOC_007782	HDDC3	chr15:91473409-91497323	18.8419	18.6574	-0.0142013	0.99714
XLOC_014429	LZTR1	chr22:21336557-21353326	12.0102	11.8932	-0.0141232	0.994615
XLOC_000194	SEPN1	chr1:26126666-26144713	73.6466	72.9312	-0.0140825	0.995309
XLOC_023919	SNX12	chrX:70279096-70293276	18.1652	17.9888	-0.0140796	0.994978
XLOC_017287	SNX2	chr5:122110749-122165802	26.9221	26.6623	-0.0139891	0.994978
XLOC_010177	ELP2	chr18:33709836-33754688	26.8658	26.6078	-0.0139247	0.994711
XLOC_013500	GNRH2	chr20:3024267-3026391	0.0764914	0.075757	-0.0139179	1
XLOC_000584	CEPT1	chr1:111659953-111727724	11.7831	11.6701	-0.013898	0.997036
XLOC_023370	WDR13	chrX:48455879-48463582	33.1126	32.7989	-0.013735	0.995302
XLOC_014172	ETS2	chr21:40177230-40196878	6.77049	6.70643	-0.0137162	0.995464
XLOC_000814	NCSTN	chr1:160258376-160328742	23.627	23.4038	-0.0136968	0.997036
XLOC_021343	LOC100129148	chr7:139025104-139112272	1.85422	1.83673	-0.0136742	0.997036
XLOC_009211	PPM1D	chr17:58677543-58743640	2.16805	2.14768	-0.0136189	0.996453
XLOC_004808	TMEM117	chr12:44229961-44783541	0.928027	0.919325	-0.0135906	0.997036
XLOC_001257	CTNBNIP1	chr1:9908333-9970316	8.3121	8.23425	-0.0135759	0.995957
XLOC_022066	C8orf59	chr8:86089618-86132643	149.849	148.457	-0.0134695	0.995597
XLOC_017698	FAM169A	chr5:74073398-74162663	2.24104	2.22029	-0.013419	0.995957
XLOC_012754	BOK	chr2:242483800-242513552	58.2314	57.693	-0.0134015	0.995309
XLOC_007296	PML	chr15:74287013-74340155	13.407	13.2837	-0.0133378	0.996079
XLOC_007318	UBE2Q2	chr15:76135621-76193388	11.673	11.5657	-0.0133269	0.995528
XLOC_012259	SEMA4F	chr2:74881354-74910981	4.25671	4.21765	-0.0132982	0.995528
XLOC_002395	WAC	chr10:28821421-28912041	23.9125	23.6933	-0.013281	0.995709
XLOC_002690	SMC3	chr10:112327448-11236438	9.61306	9.52553	-0.0131954	0.995309
XLOC_023297	PRDX4	chrX:23685644-23704514	223.64	221.628	-0.0130381	0.995709
XLOC_007154	VPS18	chr15:41186627-41196173	14.2207	14.0935	-0.0129668	0.995524
XLOC_010938	PPP1R37	chr19:45596430-45650543	10.8405	10.7435	-0.0129562	0.996079
XLOC_007206	NDUF4F4P1	chr15:49447975-49913118	0.0294362	0.0291731	-0.0129534	1

XLOC_008288	TRAPPC2L	chr16:88923505-88927520	80.0739	79.3591	-0.0129352	0.995302
XLOC_010701	KXD1	chr19:18668571-18680197	144.203	142.928	-0.0128141	0.99584
XLOC_019156	SERAC1	chr6:158530535-158589312	3.23326	3.20488	-0.0127193	0.995957
XLOC_000408	MRPL37	chr1:54665839-54684056	186.564	184.928	-0.0127089	0.995957
XLOC_017401	TCERG1	chr5:145826872-145891065	10.4388	10.3473	-0.0127048	0.995464
XLOC_014074	YTHDF1	chr20:61826781-61847538	17.931	17.7739	-0.0126997	0.995464
XLOC_003928	ACAD8	chr11:134123433-13413574	13.933	13.8118	-0.0126097	0.996023
XLOC_004163	CKAP5	chr11:46765083-46867859	14.098	13.9757	-0.0125662	0.995528
XLOC_004958	USP15	chr12:62654120-62803501	3.54729	3.51653	-0.0125623	0.997036
XLOC_017960	THOC3	chr5:175386533-17539554	17.7082	17.5547	-0.0125556	0.995957
XLOC_020351	RNF216P1	chr7:5013615-5037800	11.9143	11.8122	-0.0124157	0.996079
XLOC_014556	PICK1	chr22:38453261-38471708	17.2401	17.0931	-0.0123614	0.996079
XLOC_011272	SBNO2	chr19:1107632-1174282	13.6796	13.563	-0.0123546	0.996079
XLOC_012871	CEBPZ	chr2:37423634-37458740	8.17797	8.10898	-0.0122209	0.997036
XLOC_015762	GLT8D1	chr3:52719935-52742197	15.8843	15.7507	-0.0121891	0.998526
XLOC_000060	CAMTA1	chr1:6845383-7829766	63.4418	62.9127	-0.0120822	0.996079
XLOC_008245	ATMIN	chr16:81069457-81080951	3.92385	3.89126	-0.0120322	0.996079
XLOC_016195	MSX4	chr4:4861391-4865660	21.6841	21.5045	-0.0119974	0.996079
XLOC_003910	TIRAP	chr11:126152981-1261648	1.98703	1.97059	-0.0119886	0.997036
XLOC_005413	ZNF641	chr12:48733792-48745029	2.35586	2.33637	-0.011984	0.99647
XLOC_004918	IKZF4	chr12:56414688-56432219	1.16151	1.15198	-0.0118918	0.997036
XLOC_011423	CDKN2D	chr19:10677137-10679655	10.6513	10.5639	-0.0118757	0.997036
XLOC_006839	DHRST	chr14:60611499-60632211	55.842	55.3868	-0.0118081	0.996079
XLOC_023163	DNLZ	chr9:139256351-13925826	90.5471	89.8225	-0.0115904	0.996079
XLOC_006342	MGAT2	chr14:50087488-50090199	16.2869	16.1573	-0.0115236	0.99634
XLOC_018667	C6orf62	chr6:24667262-24719403	28.8813	28.6527	-0.0114668	0.997036
XLOC_014937	IL17RE	chr3:9944295-9958084	0.6247	0.619757	-0.0114611	0.99714
XLOC_009204	DHX40	chr17:57642885-57685713	6.23385	6.18486	-0.0113819	0.996348
XLOC_017506	TSPAN17	chr5:176074387-17608605	26.8014	26.5914	-0.0113464	0.996079
XLOC_017199	F2R	chr5:76011867-76031595	0.912396	0.905288	-0.011284	0.997036
XLOC_014579	SGSM3	chr22:40766594-41032690	16.5658	16.4368	-0.0112748	0.997036
XLOC_009106	FZD2	chr17:42634811-42638630	5.8248	5.77964	-0.0112291	0.997036
XLOC_009580	FAM222B	chr17:27082995-27169841	5.14667	5.10682	-0.0112145	0.996631
XLOC_011958	TNNI3	chr19:55663135-55669100	8.85448	8.78613	-0.0111801	0.997036
XLOC_010758	LRP3	chr19:33685598-33716756	36.855	36.5727	-0.0110901	0.99634
XLOC_009962	ATP5H	chr17:73034954-73043074	296.779	294.531	-0.0109705	0.996242
XLOC_004717	LOC642846	chr12:9436252-9466684	3.51729	3.49065	-0.0109665	0.997036
XLOC_005126	RFC5	chr12:118454505-1184700	14.3779	14.2694	-0.0109337	0.996453
XLOC_018169	RPP21,TRIM39,TRIM39-RP	chr6:30201815-30314635	167.4	166.136	-0.0109323	0.997036
XLOC_016893	PITX2	chr4:111538579-11156327	8.54689	8.48255	-0.0109024	0.997036
XLOC_008677	WDR59	chr16:74907470-75019017	11.8094	11.721	-0.0108515	0.99634
XLOC_017951	UBTD2	chr5:171636649-17171079	6.72272	6.67244	-0.0108301	0.996453
XLOC_018754	HLA-C	chr6:31236525-31239913	676.421	671.363	-0.0108291	0.996453
XLOC_009870	SUPT4H1	chr17:56378587-56494931	37.8301	37.549	-0.0107626	0.996453
XLOC_000764	DAP3	chr1:155658881-15570880	82.3995	81.7873	-0.0107592	0.996453
XLOC_016920	BBS7	chr4:122745483-12279165	2.73495	2.71468	-0.0107319	0.997036
XLOC_003631	DRAP1	chr11:65686727-65689048	530.484	526.56	-0.0107118	0.996453
XLOC_009779	GPATCH8	chr17:42472644-42580957	4.91013	4.87406	-0.010636	0.996453
XLOC_004268	UBXN1	chr11:62443971-62446527	149.344	148.258	-0.010523	0.996453
XLOC_022533	DAB2IP	chr9:124329398-12454780	6.44598	6.39914	-0.0105216	0.996453
XLOC_005016	C12orf29	chr12:88429267-88535993	4.43095	4.39878	-0.0105138	0.997036
XLOC_017369	PCDHB2	chr5:140474236-14047696	2.62906	2.60997	-0.0105119	0.997036
XLOC_017802	SHROOM1	chr5:132157832-13216659	8.78518	8.72174	-0.0104565	0.997036
XLOC_024175	FAM58A	chrX:152853382-15286463	38.755	38.4752	-0.0104516	0.996453
XLOC_017209	JMY	chr5:78531924-78623038	1.57863	1.56727	-0.0104197	0.997036
XLOC_001999	CREG1	chr1:167510250-16752305	39.4766	39.1932	-0.0103965	0.99634
XLOC_020690	HBP1	chr7:106809405-10721896	5.32029	5.28271	-0.0102274	0.998152
XLOC_013249	LOC375295	chr2:177494308-17750230	22.3257	22.1683	-0.0102053	0.997036
XLOC_009598	CRLF3	chr17:29109701-29151778	5.78548	5.74496	-0.0101389	0.997036
XLOC_005888	ITM2B	chr13:48807273-48836232	51.9768	51.6139	-0.0101065	0.996453
XLOC_004950	OS9	chr12:58087737-58115340	64.8862	64.434	-0.0100884	0.997036
XLOC_002855	ABI1	chr10:26986594-27150016	16.1159	16.0041	-0.0100392	0.997036
XLOC_017702	POC5	chr5:74970023-75013313	3.85223	3.82559	-0.01001	0.997036
XLOC_003787	YAP1	chr11:101981191-1021041	10.3008	10.2299	-0.00996127	0.996453
XLOC_017130	NDUFS4	chr5:52856464-52979171	73.6476	73.1409	-0.0099608	0.997036
XLOC_017713	HOMER1	chr5:78669785-78809700	0.888216	0.882113	-0.00994753	0.997082
XLOC_005855	RFXPAP	chr13:37393338-37403740	2.57603	2.55841	-0.00990237	0.997036
XLOC_009185	DGKE	chr17:54911459-54946036	1.97555	1.96215	-0.00981662	0.997036
XLOC_015705	QRICH1	chr3:49067141-49131504	18.6084	18.4823	-0.00981022	0.996453
XLOC_008457	DCUN1D3	chr16:20869395-20936328	2.07738	2.06336	-0.00977473	0.997744
XLOC_016040	B3GALNT1	chr3:160801670-16082316	6.19656	6.15479	-0.00975915	0.997036
XLOC_012146	GEMIN6	chr2:39005326-39009106	32.0292	31.814	-0.00972661	0.997036
XLOC_020338	PSMG3-AS1	chr7:1609708-1629261	0.312628	0.310532	-0.00970483	1
XLOC_007845	CACNA1H	chr16:1203240-1275254	0.00363444	0.0036101	-0.00969696	1
XLOC_007673	HEXA	chr15:72635777-72671129	52.4216	52.0712	-0.0096758	0.996631
XLOC_006949	DDX24	chr14:94517267-94547558	36.5368	36.2938	-0.00962619	0.996453
XLOC_008583	AMFR	chr16:56395363-56459450	31.7825	31.5723	-0.0095762	0.996631
XLOC_011039	AP2A1	chr19:50270179-50316567	27.0659	26.8871	-0.00956644	0.997036
XLOC_021372	ARHGEF35	chr7:143883175-14389279	1.82623	1.8142	-0.00953295	0.997036

XLOC_007931	METTL22	chr16:8715526-8740079	7.07044	7.02441	-0.00942219	0.997036
XLOC_008638	ESRP2	chr16:68119268-68270136	11.1479	11.0754	-0.00941083	0.997036
XLOC_002430	ZNF22	chr10:45493145-45500777	9.99624	9.93134	-0.00939758	0.997036
XLOC_006915	ALKBH1	chr14:78138748-78174356	4.45072	4.42198	-0.00934594	0.997036
XLOC_009784	KIF18B	chr17:43002078-43025079	10.5172	10.4499	-0.00926439	0.997036
XLOC_002060	STX6	chr1:180942175-180992044	6.18342	6.14384	-0.00926385	0.997036
XLOC_012116	SPDYA	chr2:29033699-29093175	0.0999083	0.0992747	-0.00917951	1
XLOC_017704	ZBED3	chr5:76372531-76444176	0.876948	0.871444	-0.00908402	0.997036
XLOC_009746	PTRF	chr17:40554466-40575338	61.9899	61.6011	-0.00907637	0.997036
XLOC_000730	CHTOP	chr1:153591275-153618782	56.4331	56.08	-0.00905437	0.99714
XLOC_003030	LOC728190	chr10:88998423-89103331	20.0021	19.88	-0.00883216	0.997036
XLOC_013260	SESTD1	chr2:179966418-180129350	0.432851	0.430223	-0.00878639	0.997082
XLOC_001777	ACP6	chr1:147119167-147142634	16.2778	16.1802	-0.00867243	0.997036
XLOC_014672	DGCR14	chr22:19117791-19132190	4.58889	4.56144	-0.00865584	0.997036
XLOC_008218	LOC100130894	chr16:70721341-70835061	0.0787299	0.0782598	-0.00864094	1
XLOC_013384	OBSL1	chr2:220415449-220436261	13.0461	12.9686	-0.00858648	0.997036
XLOC_008389	TRAP1	chr16:3702939-3767598	169.785	168.786	-0.00851495	0.997036
XLOC_021776	ZFP41	chr8:144328990-144344871	4.73609	4.70827	-0.0085013	0.997082
XLOC_002669	TRIM8	chr10:104404251-10441807	35.4297	35.2221	-0.00847994	0.997036
XLOC_013799	PCMTD2	chr20:62887047-62907579	5.08663	5.05701	-0.00842487	0.997036
XLOC_005861	NHLRC3	chr13:39612447-39624244	2.8201	2.80371	-0.00840449	0.997036
XLOC_005159	KNTC1	chr12:123011808-12311094	1.86849	1.85774	-0.00832748	0.997036
XLOC_001611	CRYZ	chr1:75171171-75232360	16.5623	16.4672	-0.0083095	0.99714
XLOC_008515	TBC1D10B	chr16:30368421-30381522	24.7956	24.6533	-0.00830264	0.997036
XLOC_018405	SLC35A1	chr6:88182642-88222057	6.67282	6.63462	-0.00828306	0.997036
XLOC_000596	WNT2B	chr1:113010039-113063910	0.895571	0.890444	-0.00828265	0.998026
XLOC_013120	CCDC93	chr2:118673053-118771731	4.44324	4.41786	-0.00826658	0.997036
XLOC_023965	SATL1	chrX:84258897-84363974	0.404655	0.402354	-0.00822671	0.998564
XLOC_017363	ZMAT2	chr5:140080031-140086231	33.2437	33.0567	-0.00813692	0.997036
XLOC_015633	ACAA1	chr3:38080695-38178733	38.2486	38.0335	-0.00813389	0.997036
XLOC_006864	VTI1B	chr14:68086578-68141602	71.2501	70.8512	-0.00809844	0.99709
XLOC_006358	STYX	chr14:53196882-53241705	3.12157	3.1041	-0.00809752	0.997036
XLOC_004910	BLOC1S1, RDH5	chr12:56109817-56118526	115.777	115.131	-0.00807279	0.997036
XLOC_002941	CSTF2T	chr10:52750910-54073888	4.8392	4.81228	-0.00804835	0.997036
XLOC_017832	HNRNPA0	chr5:137087072-137090031	50.3833	50.1034	-0.00803602	0.997036
XLOC_019128	FBXO30	chr6:145946439-146285231	4.13935	4.11647	-0.00799594	0.997036
XLOC_015443	PRKCI	chr3:169940219-170023770	7.58956	7.54765	-0.00798819	0.997036
XLOC_006045	MTIF3	chr13:27998680-28024739	32.0973	31.9202	-0.0079792	0.998526
XLOC_021096	SPDYE7P	chr7:72333317-72339655	1.17541	1.16904	-0.00784577	0.997082
XLOC_021975	KAT6A	chr8:41786996-41909505	3.43633	3.41771	-0.00783906	0.997036
XLOC_002630	MARVELD1	chr10:99473464-99477909	14.9905	14.9103	-0.00773285	0.997036
XLOC_013362	ZNF142	chr2:219502639-219524351	2.95961	2.94383	-0.00771385	0.997036
XLOC_014699	PI4KAP2	chr22:21827286-21871780	13.0479	12.9784	-0.00770154	0.997036
XLOC_018740	PPP1R10	chr6:30568176-30585084	12.1913	12.1266	-0.00767879	0.997036
XLOC_004078	CSNK2A3	chr11:11292420-11643561	0.205383	0.204299	-0.00762955	1
XLOC_020880	RBM33	chr7:155437202-155574171	4.01511	3.99395	-0.00762497	0.997036
XLOC_008659	ZNF23	chr16:71481502-71496117	7.60078	7.56084	-0.007601	0.997036
XLOC_005747	C12orf43	chr12:121440847-12145430	6.05358	6.02205	-0.00753473	0.997082
XLOC_014967	NR2C2	chr3:14984285-15106816	1.37877	1.37159	-0.00752677	0.99862
XLOC_012916	MTIF2	chr2:55463755-55496384	14.81	14.7329	-0.00752428	0.997036
XLOC_014527	HMGXB4	chr22:35653444-35691800	4.69319	4.66915	-0.00740977	0.997036
XLOC_021089	GTF2IRD1P1	chr7:66205642-66309813	8.79314	8.74816	-0.0073973	0.99714
XLOC_007536	CDAN1	chr15:43015759-43029417	5.11384	5.08772	-0.00738621	0.997036
XLOC_021483	PDGFRL	chr8:17433941-17500642	5.32273	5.29583	-0.00731059	0.99714
XLOC_013399	COL4A4	chr2:227867426-228029271	0.0133548	0.0132875	-0.00728693	1
XLOC_009418	CXCL16	chr17:4634722-4643223	44.7686	44.5439	-0.00725882	0.997036
XLOC_016004	SERP1	chr3:150259779-150264421	45.1428	44.9165	-0.00724919	0.997082
XLOC_017710	LHFPL2	chr5:77781037-77944648	2.52338	2.51084	-0.0071891	0.997082
XLOC_013625	CEP250	chr20:34043222-34099803	9.57515	9.52771	-0.00716523	0.997036
XLOC_001488	SCMH1	chr1:41480261-41707815	13.3975	13.3319	-0.00707577	0.997082
XLOC_009412	ANKFY1	chr17:4066664-4167274	3.86751	3.8486	-0.00707219	0.997036
XLOC_011057	CLEC11A	chr19:51226604-51228981	226.365	225.261	-0.00705532	0.997036
XLOC_014563	APOBEC3C	chr22:39410264-39414825	15.2421	15.1681	-0.00702073	0.997082
XLOC_020746	SPAN33	chr7:128784711-128809534	28.9846	28.8444	-0.0069935	0.997036
XLOC_013140	SAP130	chr2:128698790-128784861	6.91862	6.88523	-0.00697903	0.997036
XLOC_009615	NLE1	chr17:33458367-33469322	32.3734	32.2188	-0.00690791	0.997082
XLOC_002776	PRAP1	chr10:135160843-13516611	0.0319671	0.0318145	-0.00690053	1
XLOC_003063	TCTN3	chr10:97423152-97453900	22.5046	22.3978	-0.0068675	0.997036
XLOC_022078	RMDN1	chr8:87484577-87521009	8.85061	8.80859	-0.00686611	0.997082
XLOC_018084	ACOT13	chr6:24667262-24719403	7.30585	7.27122	-0.00685569	0.9985
XLOC_000668	BOLA1	chr1:149871154-149872341	0.259044	0.257822	-0.00682235	1
XLOC_003444	PTPMT1	chr11:47586981-47606115	17.9163	17.8322	-0.0067902	0.998227
XLOC_004342	B3GNT1	chr11:66112842-66115161	12.303	12.2453	-0.00677783	0.997082
XLOC_017347	MATR3	chr5:138609440-138667361	39.6646	39.48	-0.00673257	0.997036
XLOC_007513	C15orf57	chr15:40845297-40857252	20.2004	20.1067	-0.0067096	0.997082
XLOC_001541	FAF1	chr1:50906934-51425936	28.2064	28.0756	-0.00670253	0.997036
XLOC_011284	REXO1	chr19:1815244-1848452	16.7612	16.6837	-0.00669018	0.997036
XLOC_020749	STRIP2	chr7:129074273-129128231	3.30681	3.29152	-0.00668617	0.997036
XLOC_002044	KIAA0040	chr1:175126122-175162221	2.01506	2.00578	-0.00665688	0.99714

XLOC_017398	SH3RF2	chr5:145316125-145442871	0.552448	0.549917	-0.00662355	0.997819
XLOC_010312	SS18	chr18:23596216-23670611	13.9857	13.9227	-0.00651794	0.997036
XLOC_006760	ARHGAP5-AS1	chr14:32544624-32545905	2.15854	2.14885	-0.00649137	0.998526
XLOC_001316	UBR4	chr1:19400999-19536746	5.79533	5.76937	-0.00647824	0.997036
XLOC_023103	ZDHHC12	chr9:131464801-131486401	79.0347	78.6873	-0.00635469	0.998526
XLOC_005547	DCTN2	chr12:57916658-57941114	62.3491	62.0752	-0.00635256	0.99714
XLOC_018475	HSF2	chr6:122720695-122754264	6.09286	6.06613	-0.00634457	0.99714
XLOC_011368	INSR	chr19:7112265-7294011	2.98797	2.97487	-0.00633658	0.997082
XLOC_021717	EBAG9	chr8:110551928-110577391	17.2674	17.1923	-0.00628682	0.99714
XLOC_005513	SARNP	chr12:56137063-56211540	43.671	43.4843	-0.00618112	0.99714
XLOC_022915	CDK20	chr9:90581358-90589695	7.94634	7.9124	-0.00617514	0.99714
XLOC_021341	ZC3HAV1L	chr7:138710451-138720771	1.84015	1.83235	-0.00613179	0.998564
XLOC_020959	FAM126A	chr7:22980877-23053770	0.018918	0.0188381	-0.00610692	1
XLOC_011689	TGFB1	chr19:41836811-41859831	99.9309	99.5092	-0.00610085	0.99714
XLOC_018623	TUBB2B	chr6:3224494-3227968	0.868283	0.864624	-0.00609135	0.997511
XLOC_011832	C19orf73	chr19:49617617-49622397	2.76605	2.75443	-0.00607378	0.997532
XLOC_015020	OXSRI	chr3:38207025-38296979	8.47191	8.43655	-0.006033	0.99714
XLOC_003204	ADAM8	chr10:135075919-13509040	0.78249	0.779226	-0.00603056	0.998342
XLOC_017170	SERF1A	chr5:69321071-69338940	0.109249	0.108799	-0.00595336	1
XLOC_022802	DCTN3	chr9:34613547-34620496	99.0494	98.6453	-0.00589685	0.99714
XLOC_004734	LOH12CR1	chr12:12510019-12619838	4.39885	4.381	-0.00586515	0.997535
XLOC_009770	LSM12	chr17:42112002-42144987	61.3026	61.0559	-0.00581885	0.99714
XLOC_009365	VPS53	chr17:411907-618096	2.67674	2.66603	-0.00578387	0.99714
XLOC_003205	TUBGCP2	chr10:135092133-13512666	22.308	22.2195	-0.00573174	0.997519
XLOC_014408	MRPL40	chr22:19420035-19423596	77.8918	77.5895	-0.00560975	0.99714
XLOC_002118	KLHL12	chr1:202860229-202896371	9.96321	9.92496	-0.00554939	0.99714
XLOC_012426	IMP4	chr2:131100488-131104191	134.458	133.946	-0.00550853	0.997323
XLOC_005179	AACS	chr12:125549924-12562781	9.13372	9.09897	-0.00549826	0.99714
XLOC_007548	CATSPER2P1	chr15:44028145-44038496	0.392984	0.391496	-0.0054755	0.997036
XLOC_021706	FZD6	chr8:104310660-104345094	8.70618	8.67378	-0.00537995	0.99714
XLOC_023128	TSC1	chr9:135766734-135820020	4.23136	4.21568	-0.00535649	0.997342
XLOC_011196	EPN1	chr19:56186560-56207133	98.9325	98.566	-0.0053559	0.99714
XLOC_005257	C1RL	chr12:7247145-7274447	3.97524	3.96051	-0.00535469	0.997535
XLOC_004957	SLC16A7	chr12:59989820-60183635	0.186031	0.185346	-0.00532161	1
XLOC_012082	HADHB	chr2:26467615-26513333	65.045	64.8084	-0.0052572	0.99714
XLOC_006919	GTF2A1	chr14:81641795-81687575	3.28034	3.26844	-0.00524216	0.997342
XLOC_017695	ANKRA2	chr5:72848024-72861511	2.7178	2.70798	-0.00522145	0.997532
XLOC_011277	PCSK4	chr19:1481426-1490407	1.00545	1.00184	-0.00519233	0.997323
XLOC_008471	USP31	chr16:23072727-23160591	1.65093	1.64501	-0.00518375	0.997535
XLOC_013288	STK17B	chr2:196998306-197036331	2.67035	2.66078	-0.00518119	0.997892
XLOC_015739	C3orf18	chr3:50595455-50622421	6.48004	6.45684	-0.00517413	0.998564
XLOC_013484	SNPH	chr20:1246959-1289971	1.41248	1.40751	-0.00508439	0.997593
XLOC_016878	PPA2	chr4:106290233-106395227	39.7146	39.5751	-0.00507578	0.99714
XLOC_008872	ADORA2B	chr17:15848230-15879210	30.8117	30.704	-0.00505256	0.997323
XLOC_013481	PSMT1	chr20:1093905-1148426	34.6077	34.4871	-0.0050359	0.997342
XLOC_022504	DNAJC25,DNAJC25-GNG11	chr9:114393631-114432521	104.812	104.457	-0.00490422	0.997503
XLOC_012633	SMARCAL1	chr2:217277136-217347774	7.15639	7.13222	-0.00488076	0.997532
XLOC_009164	EME1	chr17:48450580-48474914	2.31319	2.30539	-0.00487088	0.999416
XLOC_013214	LOC100506124	chr2:166713985-166728451	0.344994	0.343854	-0.00477485	1
XLOC_018909	MUT	chr6:49398072-49431041	5.9477	5.92808	-0.00476655	0.997532
XLOC_024157	CD99L2	chrX:149934808-150067281	6.61804	6.59639	-0.00472772	0.997342
XLOC_003593	CCDC88B	chr11:64107689-64125006	5.1882	5.17128	-0.00471268	0.997892
XLOC_021577	FNTA	chr8:42911441-42940932	55.2442	55.0667	-0.00464309	0.997535
XLOC_001386	WASF2	chr1:27730733-27816678	18.3214	18.2628	-0.00462319	0.997342
XLOC_013281	HIBCH	chr2:191069359-191184771	2.55915	2.55109	-0.00455304	0.998514
XLOC_002591	TNK2	chr10:93558150-93625232	3.22611	3.21596	-0.00454477	0.997811
XLOC_006654	INF2	chr14:105155942-10518594	40.5482	40.4219	-0.00450401	0.997669
XLOC_005253	PHB2	chr12:7074514-7079916	466.903	465.475	-0.0044174	0.997342
XLOC_005058	CHPT1	chr12:102091416-10213321	14.7727	14.7277	-0.0044035	0.998425
XLOC_014478	CRYBB2P1	chr22:25844053-25857645	21.843	21.7768	-0.00437646	0.997752
XLOC_005429	MLL2	chr12:49412757-49449107	2.013	2.00695	-0.00434187	0.9979
XLOC_018383	SENP6	chr6:76311621-76427994	4.63687	4.62294	-0.00434075	0.99761
XLOC_010716	YJEFN3	chr19:19639669-19648393	3.68184	3.67083	-0.00432221	0.998558
XLOC_002479	REEP3	chr10:65281122-65384883	3.90682	3.89516	-0.00431139	0.997532
XLOC_017921	MED7	chr5:156565450-156569921	7.90847	7.88493	-0.00430122	0.998526
XLOC_000754	SLC50A1	chr1:155108287-155111334	40.8972	40.7756	-0.00429591	0.997535
XLOC_021457	TNKS	chr8:9413444-9639856	3.51335	3.50324	-0.00415685	0.998409
XLOC_001293	ZBTB17	chr1:16268363-16302627	12.2151	12.18	-0.00415051	0.997892
XLOC_010403	RTTN	chr18:67671042-67872962	0.839823	0.837484	-0.00402349	0.997908
XLOC_002506	SLC29A3	chr10:73079009-73123147	7.30572	7.28561	-0.00397722	0.998514
XLOC_016424	HERC6	chr4:89299890-89364249	3.10168	3.09315	-0.00397326	0.998514
XLOC_008637	DDX28	chr16:68055176-68113226	15.9296	15.8862	-0.00392943	0.998526
XLOC_014611	SAMM50	chr22:44351260-44392412	22.5647	22.505	-0.003826	0.998514
XLOC_021980	THAP1	chr8:42691816-42698474	6.33631	6.31955	-0.00382151	0.998514
XLOC_015770	CHDH	chr3:53850323-53880420	4.48336	4.47167	-0.00376639	0.998514
XLOC_012669	STK11IP	chr2:220462595-220481171	2.42157	2.41526	-0.00376512	0.998526
XLOC_008576	RPGRIIP1L	chr16:53633817-53737771	0.273487	0.272786	-0.00370282	1
XLOC_015663	LZTFL1	chr3:45864809-45957216	2.75655	2.74959	-0.00365036	0.998514
XLOC_005280	DDX12P	chr12:9570286-9600768	3.16437	3.15652	-0.00358248	0.998526

XLOC_000410	MROH7,TTC4	chr1:55107426-55208328	14.0081	13.9737	-0.00354803	0.998514
XLOC_014253	APP	chr21:27252860-27543446	79.0356	78.8447	-0.0034884	0.998514
XLOC_020343	CHST12	chr7:2443194-2474216	10.0374	10.0135	-0.00342892	0.998526
XLOC_001809	CDC42SE1	chr1:151020258-15103212	32.5392	32.4622	-0.00341838	0.998514
XLOC_001722	PHTF1	chr1:114239823-114301777	1.68052	1.67657	-0.0033926	0.99862
XLOC_007346	KIAA1199	chr15:81071711-81243999	0.0952211	0.0950015	-0.00332973	1
XLOC_007309	SCAMP5	chr15:75287875-75313836	22.6809	22.6287	-0.0033238	0.998526
XLOC_003610	DPF2	chr11:65101224-65120451	27.6187	27.5584	-0.003151	0.998514
XLOC_009356	FOXK2	chr17:80477593-80562483	18.0669	18.0275	-0.00314977	0.998526
XLOC_003394	KIAA1549L	chr11:33563876-33695646	1.26421	1.26146	-0.00313436	0.998526
XLOC_000091	MHP	chr1:12079298-12092106	35.7083	35.6313	-0.00311404	0.998526
XLOC_022694	TOR4A	chr9:140172279-140177093	54.7564	54.6421	-0.00301523	0.998514
XLOC_014820	TMEM184B	chr22:38615297-38669040	19.7107	19.6696	-0.0030087	0.998526
XLOC_020526	STAG3L4	chr7:66767624-66786513	6.73749	6.72352	-0.00299402	0.998564
XLOC_015532	SLC51A	chr3:195943382-195960307	0.117541	0.117301	-0.002952	1
XLOC_006866	ZFYVE26	chr14:68213236-68283306	1.64121	1.63788	-0.00293076	0.998564
XLOC_018629	LYRM4	chr6:5108652-5261172	21.7351	21.6913	-0.00290527	0.998564
XLOC_022012	TTPA	chr8:63972047-63998612	0.311017	0.310394	-0.00289334	1
XLOC_009071	HSD17B1	chr17:40703983-40707232	26.8638	26.8106	-0.0028628	0.998526
XLOC_023257	HCCS	chrX:11129405-11141204	11.5315	11.5093	-0.00278376	0.998564
XLOC_003819	SDHD	chr11:111957570-11196657	54.6642	54.5602	-0.00274781	0.998564
XLOC_020349	FOXK1	chr7:4721929-4811074	7.72688	7.71229	-0.00272601	0.998526
XLOC_022681	C9orf142	chr9:139886869-139888428	151.845	151.561	-0.00270072	0.998526
XLOC_009970	CASKIN2	chr17:73452663-73511627	4.77761	4.769	-0.0026041	0.99926
XLOC_013617	DYNLRB1	chr20:33104203-33128762	178.775	178.456	-0.00257079	0.998526
XLOC_013852	FERMT1	chr20:6055491-6104191	4.89771	4.88903	-0.00256043	0.99862
XLOC_021046	SNHG15	chr7:45022626-45026259	149.028	148.768	-0.00252212	0.998564
XLOC_021435	MCPH1	chr8:6264112-6501140	3.23949	3.23385	-0.00251071	0.99862
XLOC_013744	GNAS	chr20:57393972-57486250	462.503	461.718	-0.00245258	0.998564
XLOC_004565	BCL9L	chr11:118754474-11878167	5.29382	5.28547	-0.00227765	0.99862
XLOC_000905	FAM20B	chr1:178995073-179045702	7.66986	7.65782	-0.0022666	0.998564
XLOC_021738	TRMT12	chr8:125463047-125465266	4.95516	4.94813	-0.00204903	0.998764
XLOC_006272	TOX4	chr14:21945334-21979457	10.5924	10.5775	-0.00202996	0.998951
XLOC_003665	GSTP1	chr11:67351065-67354124	987.091	985.72	-0.00200445	0.99862
XLOC_012237	SPR	chr2:73114511-73119289	75.9776	75.8744	-0.00195986	0.99862
XLOC_006024	XPO4	chr13:21351467-21476913	2.36446	2.3613	-0.00192882	0.99862
XLOC_013454	MYEOV2	chr2:241065979-241075764	232.412	232.117	-0.00182994	0.998764
XLOC_021291	WASL	chr7:123321996-123389116	9.48547	9.47347	-0.00182651	0.998945
XLOC_007880	CCNF	chr16:2479394-2508859	9.60619	9.59458	-0.00174506	0.999033
XLOC_021583	KIAA0146	chr8:48173488-48648563	8.62498	8.61469	-0.00172344	0.998764
XLOC_007144	IVD	chr15:40697685-40713512	15.9198	15.9014	-0.0016691	0.998897
XLOC_018544	SAMD5	chr6:147829827-147891157	0.599869	0.59918	-0.00165926	0.998628
XLOC_003439	C11orf49	chr11:46958250-47198676	17.8133	17.7934	-0.00160851	0.999427
XLOC_014953	TSEN2	chr3:12525930-12574820	5.31152	5.30562	-0.00160379	0.999116
XLOC_014827	JOSD1	chr22:39081547-39096459	21.5854	21.5632	-0.00148486	0.998975
XLOC_007704	FBXO22-AS1	chr15:76196199-76227608	43.5476	43.5036	-0.00145878	0.999427
XLOC_006925	PTPN21	chr14:88932121-89021123	1.43884	1.43743	-0.00140969	0.999427
XLOC_017318	UQCRCQ	chr5:132202318-132204536	110.353	110.247	-0.00139625	0.999214
XLOC_015476	ACP2M1	chr3:183892633-183901878	207.393	207.193	-0.00139489	0.999182
XLOC_006091	ELF1	chr13:41506054-41593508	6.88665	6.88014	-0.00136472	0.999222
XLOC_010794	COX6B1	chr19:36139124-36149686	355.873	355.54	-0.00134837	0.998951
XLOC_013053	ANKRD39	chr2:97513723-97523756	20.9003	20.8827	-0.00121694	0.999427
XLOC_008794	FAM64A	chr17:6347734-6354385	17.8606	17.8459	-0.00118741	0.999416
XLOC_017642	PAIP1	chr5:43526369-43557521	33.6029	33.5753	-0.00118622	0.999416
XLOC_002867	SVIL	chr10:29746276-30024730	1.74624	1.74495	-0.00106824	0.999416
XLOC_006634	TECPR2	chr14:102829299-10296887	0.694576	0.694088	-0.00101467	0.999424
XLOC_000343	B4GALT2	chr1:44444873-44456843	43.337	43.3077	-0.000975757	0.999427
XLOC_018328	CDC5L	chr6:44355250-44418161	5.42666	5.42328	-0.000899183	0.999427
XLOC_011536	ISYNA1	chr19:18530145-18549111	4.93294	4.93011	-0.000827854	0.999929
XLOC_011349	RFX2	chr19:5978413-6110664	3.06112	3.05939	-0.000816008	0.999427
XLOC_011331	SEMA6B	chr19:4542599-4559771	16.8648	16.8561	-0.000742449	0.999427
XLOC_017420	SLC26A2	chr5:149340299-149366963	1.22286	1.22225	-0.000720185	0.999427
XLOC_001522	POMGNT1	chr1:46654352-46686928	30.2916	30.278	-0.000647502	0.999427
XLOC_009082	AOC2	chr17:40996608-41002724	2.15457	2.15363	-0.000630045	0.999427
XLOC_002192	RAB3GAP2	chr1:220321609-220445843	3.02556	3.02431	-0.000597308	0.999427
XLOC_010502	HDGFRP2	chr19:4472254-4517716	37.7274	37.712	-0.000587642	0.999427
XLOC_007184	CTDSP2	chr15:44719578-44819429	2.61931	2.61825	-0.000586253	0.999427
XLOC_015241	BBX	chr3:107241782-107530178	2.32359	2.32269	-0.000559205	0.999427
XLOC_004265	GANAB	chr11:62392297-62414104	91.0748	91.0409	-0.000537348	0.999427
XLOC_013782	PPDPF	chr20:62152132-62153524	575.547	575.338	-0.000522254	0.999427
XLOC_013934	NCOA6	chr20:33302577-33413433	3.75431	3.75315	-0.00044586	0.999427
XLOC_017238	ARSK	chr5:94890824-94940806	1.01583	1.01553	-0.000432088	0.998764
XLOC_021567	GOLGA7	chr8:41348080-41368499	31.5203	31.5109	-0.000428204	0.999485
XLOC_018967	PHIP	chr6:79644135-79788011	2.19541	2.19484	-0.000375205	0.999591
XLOC_001720	SLC16A1	chr1:113454469-113498978	33.9011	33.8929	-0.000350229	0.999567
XLOC_010411	LOC400657	chr18:72259009-72265071	2.62274	2.62219	-0.000301768	0.999427
XLOC_014322	DSCR3	chr21:38595725-38639833	15.2281	15.2249	-0.000299727	0.999799
XLOC_021914	ENTPD4	chr8:23286664-23315244	3.84131	3.84063	-0.000257357	0.999591
XLOC_016573	PALLD	chr4:169418216-169849608	4.81827	4.81775	-0.00015529	0.999929

XLOC_012551	ITGAV	chr2:187454789-187545628	2.50202	2.50178	-0.000136569	0.999929
XLOC_018565	SCAF8	chr6:155054511-155155194	6.68373	6.68343	-6.40E-05	0.999567
XLOC_008670	ZFH3	chr16:72816785-73092534	1.05779	1.05776	-3.54E-05	1
XLOC_021371	FAM115A	chr7:143548460-143599278	8.54437	8.54423	-2.37E-05	1
XLOC_023548	CXorf57	chrX:105855159-105922671	1.67854	1.67852	-2.04E-05	1
XLOC_008318	LINC00235	chr16:576846-577407	0	0	0	1
XLOC_011055	SNAR-F	chr19:51108219-51108342	0	0	0	1
XLOC_023825	MIR221	chrX:45605584-45605694	0	0	0	1
XLOC_001395	SNORD99	chr1:28879528-28908366	0	0	0	1
XLOC_012413	RNU4ATAC	chr2:122095351-122407052	0	0	0	1
XLOC_013495	SNORD57	chr20:2633177-2639039	0	0	0	1
XLOC_000001	DDX11L1	chr1:11873-29370	0	0	0	1
XLOC_000002	OR4F5	chr1:69090-70008	0	0	0	1
XLOC_000004	OR4F3	chr1:367658-368597	0	0	0	1
XLOC_000011	LOC254099	chr1:1072396-1079434	0	0	0	1
XLOC_000012	MIR200B	chr1:1102483-1102578	0	0	0	1
XLOC_000013	MIR200A	chr1:1103242-1103332	0	0	0	1
XLOC_000014	MIR429	chr1:1104384-1104467	0	0	0	1
XLOC_000015	TTL10	chr1:1109285-1133313	0	0	0	1
XLOC_000022	TMEM88B	chr1:1361507-1363167	0	0	0	1
XLOC_000029	MMP23A	chr1:1571099-1655791	0	0	0	1
XLOC_000031	GABRD	chr1:1950767-1962192	0	0	0	1
XLOC_000038	ACTRT2	chr1:2938045-2939467	0	0	0	1
XLOC_000040	MIR4251	chr1:2985741-3355185	0	0	0	1
XLOC_000044	CCDC27	chr1:3668964-3688209	0	0	0	1
XLOC_000048	LOC728716	chr1:4000671-4012643	0	0	0	1
XLOC_000049	LOC284661	chr1:4472110-4484744	0	0	0	1
XLOC_000050	AJAP1	chr1:4715104-4843851	0	0	0	1
XLOC_000051	MIR4417	chr1:5624130-5624203	0	0	0	1
XLOC_000054	HES3	chr1:6304251-6305638	0	0	0	1
XLOC_000066	CA6	chr1:9005892-9035148	0	0	0	1
XLOC_000080	MTOR-AS1	chr1:11166587-11322608	0	0	0	1
XLOC_000081	ANGPTL7	chr1:11166587-11322608	0	0	0	1
XLOC_000083	PTCHD2	chr1:11539294-11597640	0	0	0	1
XLOC_000086	DRAXIN	chr1:11751780-11780336	0	0	0	1
XLOC_000095	SNORA59A	chr1:12290112-12572098	0	0	0	1
XLOC_000096	AADA4L4	chr1:12704565-12727097	0	0	0	1
XLOC_000097	AADA4L3	chr1:12776117-12788726	0	0	0	1
XLOC_000098	C1orf158	chr1:12806162-12821102	0	0	0	1
XLOC_000099	PRAMEF12	chr1:12834983-12838048	0	0	0	1
XLOC_000100	PRAMEF1	chr1:12851545-12856777	0	0	0	1
XLOC_000101	PRAMEF2	chr1:12916940-12921764	0	0	0	1
XLOC_000102	PRAMEF7,PRAMEF8	chr1:12976449-12980568	0	0	0	1
XLOC_000103	PRAMEF22	chr1:13035542-13038381	0	0	0	1
XLOC_000104	PRAMEF5	chr1:13359818-13369057	0	0	0	1
XLOC_000105	PRAMEF9	chr1:13421175-13428191	0	0	0	1
XLOC_000106	PRAMEF16	chr1:13495253-13498259	0	0	0	1
XLOC_000107	PRAMEF20,PRAMEF21	chr1:13516065-13526943	0	0	0	1
XLOC_000108	PRAMEF9	chr1:13641972-13648988	0	0	0	1
XLOC_000109	PRAMEF17	chr1:13716087-13719064	0	0	0	1
XLOC_000110	PRAMEF20,PRAMEF21	chr1:13736906-13747803	0	0	0	1
XLOC_000111	PDPN	chr1:13910251-13944452	0	0	0	1
XLOC_000118	CELA2A	chr1:15783222-15798586	0	0	0	1
XLOC_000119	CELA2B	chr1:15802595-15817895	0	0	0	1
XLOC_000124	TMEM82	chr1:16068986-16074292	0	0	0	1
XLOC_000127	C1orf64	chr1:16330730-16333184	0	0	0	1
XLOC_000128	CLCNKA	chr1:16348485-16360545	0	0	0	1
XLOC_000129	CLCNKB	chr1:16370230-16383821	0	0	0	1
XLOC_000132	MIR3675	chr1:16875408-16875482	0	0	0	1
XLOC_000134	MIR3675	chr1:17007749-17007823	0	0	0	1
XLOC_000139	PADI6	chr1:17698740-17728195	0	0	0	1
XLOC_000142	IGSF21	chr1:18434239-18704977	0	0	0	1
XLOC_000144	PAX7	chr1:18957499-19075360	0	0	0	1
XLOC_000148	HTR6	chr1:19991779-20006055	0	0	0	1
XLOC_000150	PLA2G5	chr1:20396700-20418394	0	0	0	1
XLOC_000151	PLA2G2F	chr1:20465822-20476879	0	0	0	1
XLOC_000152	UBXN10	chr1:20512577-20519942	0	0	0	1
XLOC_000153	VWA5B1	chr1:20617411-20681387	0	0	0	1
XLOC_000154	FAM43B	chr1:20878931-20881513	0	0	0	1
XLOC_000161	CELA3B	chr1:22303417-22315847	0	0	0	1
XLOC_000162	CELA3A	chr1:22328148-22339035	0	0	0	1
XLOC_000167	C1QA	chr1:22963117-22966175	0	0	0	1
XLOC_000168	C1QC	chr1:22970117-22974603	0	0	0	1
XLOC_000169	C1QB	chr1:22979681-22988029	0	0	0	1
XLOC_000171	MIR4684	chr1:23037330-23241823	0	0	0	1
XLOC_000173	MIR3115	chr1:23345940-23410184	0	0	0	1
XLOC_000180	MIR378F	chr1:24255559-24255637	0	0	0	1
XLOC_000182	LOC284632	chr1:24526729-24538180	0	0	0	1
XLOC_000186	NCMAP	chr1:24882566-24935818	0	0	0	1

XLOC_000209	MIR1976	chr1:26856248-26901520	0	0	0	1
XLOC_000234	RAB42	chr1:28918711-28921088	0	0	0	1
XLOC_000238	OPRD1	chr1:29138653-29190208	0	0	0	1
XLOC_000244	LOC149086	chr1:31971838-31974167	0	0	0	1
XLOC_000245	LOC284551	chr1:31984035-31989846	0	0	0	1
XLOC_000246	TINAGL1	chr1:32042085-32053287	0	0	0	1
XLOC_000247	HCRTR1	chr1:32083300-32092919	0	0	0	1
XLOC_000257	LCK	chr1:32716839-32751766	0	0	0	1
XLOC_000269	HMGB4	chr1:33979608-34631443	0	0	0	1
XLOC_000270	LOC402779	chr1:33979608-34631443	0	0	0	1
XLOC_000271	C1orf94	chr1:34632623-34684731	0	0	0	1
XLOC_000273	GJB4	chr1:35225341-35229325	0	0	0	1
XLOC_000275	GJA4	chr1:35258598-35261348	0	0	0	1
XLOC_000288	MIR4255	chr1:37627163-37627235	0	0	0	1
XLOC_000295	MIR3659	chr1:38554902-38555001	0	0	0	1
XLOC_000313	MIR30E	chr1:41154751-41237275	0	0	0	1
XLOC_000314	MIR30C1	chr1:41154751-41237275	0	0	0	1
XLOC_000318	GUCA2B	chr1:42619091-42621495	0	0	0	1
XLOC_000329	FAM183A	chr1:43613593-43622067	0	0	0	1
XLOC_000331	TMEM125	chr1:43735664-43739673	0	0	0	1
XLOC_000345	KLF17	chr1:44584521-44600809	0	0	0	1
XLOC_000348	MIR5584	chr1:44870959-45117396	0	0	0	1
XLOC_000354	SNORD38A	chr1:45241245-45244412	0	0	0	1
XLOC_000355	SNORD38B	chr1:45241245-45244412	0	0	0	1
XLOC_000375	MKNK1-AS1	chr1:47004367-47069966	0	0	0	1
XLOC_000377	EFCAB14-AS1	chr1:47139707-47184736	0	0	0	1
XLOC_000378	CYP4B1	chr1:47264669-47285021	0	0	0	1
XLOC_000379	CYP4X1	chr1:47489239-47516423	0	0	0	1
XLOC_000380	CYP4Z1	chr1:47533159-47583992	0	0	0	1
XLOC_000381	CYP4A22	chr1:47603106-47614526	0	0	0	1
XLOC_000386	SLC5A9	chr1:48688356-48714316	0	0	0	1
XLOC_000387	ELAVL4	chr1:50513685-50667540	0	0	0	1
XLOC_000389	C1orf185	chr1:51567905-51613754	0	0	0	1
XLOC_000396	FAM159A	chr1:53099065-53122737	0	0	0	1
XLOC_000400	PODN	chr1:53527723-53551174	0	0	0	1
XLOC_000403	DMRTB1	chr1:53925071-53933158	0	0	0	1
XLOC_000407	MIR4781	chr1:54519273-54565416	0	0	0	1
XLOC_000416	MIR4422	chr1:55691313-55691396	0	0	0	1
XLOC_000417	PRKAA2	chr1:57110989-57181008	0	0	0	1
XLOC_000418	C8A	chr1:57320442-57383894	0	0	0	1
XLOC_000419	LOC100131060	chr1:59250822-59365384	0	0	0	1
XLOC_000423	MGC34796	chr1:62119913-62121800	0	0	0	1
XLOC_000427	ANGPTL3	chr1:62920396-63154039	0	0	0	1
XLOC_000435	UBE2U	chr1:64669489-64710027	0	0	0	1
XLOC_000437	MIR4794	chr1:64936475-65158741	0	0	0	1
XLOC_000444	MIR3117	chr1:66999824-67210768	0	0	0	1
XLOC_000445	TCTEX1D1	chr1:67218139-67244730	0	0	0	1
XLOC_000447	IL23R	chr1:67632168-67725650	0	0	0	1
XLOC_000452	PIN1P1	chr1:70225857-70589171	0	0	0	1
XLOC_000460	LHX8	chr1:75594118-75627218	0	0	0	1
XLOC_000463	SNORD45C	chr1:76251878-76260775	0	0	0	1
XLOC_000465	SNORD45B	chr1:76251878-76260775	0	0	0	1
XLOC_000467	ST6GALNAC3	chr1:76540388-77096669	0	0	0	1
XLOC_000468	ST6GALNAC5	chr1:77333185-77529737	0	0	0	1
XLOC_000474	MGC27382	chr1:78695282-78835147	0	0	0	1
XLOC_000475	PTGFR	chr1:78956727-79006386	0	0	0	1
XLOC_000476	IFI44L	chr1:79086087-79111830	0	0	0	1
XLOC_000477	IFI44	chr1:79115476-79129763	0	0	0	1
XLOC_000478	LPHN2	chr1:82266081-82458107	0	0	0	1
XLOC_000481	DNASE2B	chr1:84864214-84880691	0	0	0	1
XLOC_000484	MIR4423	chr1:85599476-85599556	0	0	0	1
XLOC_000488	CLCA1	chr1:86934525-86965974	0	0	0	1
XLOC_000489	CLCA4	chr1:87012758-87046432	0	0	0	1
XLOC_000496	GBP6	chr1:89829435-89853719	0	0	0	1
XLOC_000497	GBP1P1	chr1:89873237-89890493	0	0	0	1
XLOC_000507	C1orf146	chr1:92683572-92711367	0	0	0	1
XLOC_000511	SNORA66	chr1:93297593-93427079	0	0	0	1
XLOC_000517	MIR760	chr1:94027342-94312706	0	0	0	1
XLOC_000522	FLJ31662	chr1:95940292-95944912	0	0	0	1
XLOC_000524	DPYD-AS1	chr1:97543299-98386615	0	0	0	1
XLOC_000525	LOC729987	chr1:98676266-98738214	0	0	0	1
XLOC_000527	LOC100129620	chr1:99355800-99614408	0	0	0	1
XLOC_000528	LPPR4	chr1:99729847-99775138	0	0	0	1
XLOC_000529	PALMD	chr1:100111430-100231345	0	0	0	1
XLOC_000535	MIR553	chr1:100731713-100758325	0	0	0	1
XLOC_000537	GPR88	chr1:101003727-101007583	0	0	0	1
XLOC_000538	VCAM1	chr1:101185195-101204601	0	0	0	1
XLOC_000540	S1PR1	chr1:101702304-101707076	0	0	0	1
XLOC_000541	DNAJA1P5	chr1:102268126-102462790	0	0	0	1

XLOC_000544	AMY2A	chr1:104159998-104168400	0	0	0	1
XLOC_000545	AMY1A	chr1:104198140-104207173	0	0	0	1
XLOC_000546	AMY1A	chr1:104292278-104301317	0	0	0	1
XLOC_000549	NTNG1	chr1:107682628-108024475	0	0	0	1
XLOC_000550	VAV3-AS1	chr1:108113781-108537225	0	0	0	1
XLOC_000551	NBPF6	chr1:108992903-109013260	0	0	0	1
XLOC_000568	MIR197	chr1:110141514-110141585	0	0	0	1
XLOC_000582	CYMP	chr1:111023387-111033897	0	0	0	1
XLOC_000583	CD53	chr1:111413820-111442555	0	0	0	1
XLOC_000585	CHI3L2	chr1:111770280-111786062	0	0	0	1
XLOC_000586	CHIAP2	chr1:111823145-111828730	0	0	0	1
XLOC_000587	CHIA	chr1:111833473-111863188	0	0	0	1
XLOC_000588	PIFO	chr1:111889194-111895635	0	0	0	1
XLOC_000607	SYCP1	chr1:115397454-115537990	0	0	0	1
XLOC_000608	TSHB	chr1:115572414-115576947	0	0	0	1
XLOC_000613	MIR320B1	chr1:117214370-117214445	0	0	0	1
XLOC_000614	CD2	chr1:117297085-117311857	0	0	0	1
XLOC_000618	MIR942	chr1:117602948-117645497	0	0	0	1
XLOC_000622	HAO2	chr1:119911401-119936757	0	0	0	1
XLOC_000624	HSD3B1	chr1:120049825-120057687	0	0	0	1
XLOC_000628	HIST2H2BA	chr1:120906033-120914842	0	0	0	1
XLOC_000630	EMBP1	chr1:121260909-121313688	0	0	0	1
XLOC_000647	GPR89C	chr1:145883867-145924045	0	0	0	1
XLOC_000652	GJA8	chr1:147374945-147381395	0	0	0	1
XLOC_000655	PPIAL4E	chr1:148644010-148644795	0	0	0	1
XLOC_000657	PPIAL4D	chr1:148806014-148806795	0	0	0	1
XLOC_000660	FCGR1C	chr1:149369293-149378297	0	0	0	1
XLOC_000661	PPIAL4B	chr1:149553002-149553787	0	0	0	1
XLOC_000663	FCGR1A	chr1:149754244-149783928	0	0	0	1
XLOC_000664	HIST2H4B	chr1:149804220-149804616	0	0	0	1
XLOC_000666	HIST2H3C	chr1:149824180-149824687	0	0	0	1
XLOC_000681	MIR4257	chr1:150521897-150533417	0	0	0	1
XLOC_000696	MIR554	chr1:151512780-151556055	0	0	0	1
XLOC_000698	RIIAD1	chr1:151694012-151702082	0	0	0	1
XLOC_000700	LOC100132111	chr1:151810338-151816647	0	0	0	1
XLOC_000702	CRCT1	chr1:152486977-152488487	0	0	0	1
XLOC_000703	LCE3C	chr1:152573137-152573562	0	0	0	1
XLOC_000704	LCE3B	chr1:152586286-152586574	0	0	0	1
XLOC_000705	LCE2D	chr1:152635886-152637135	0	0	0	1
XLOC_000706	LCE2C	chr1:152647790-152649045	0	0	0	1
XLOC_000707	LCE2B	chr1:152658598-152659876	0	0	0	1
XLOC_000708	LCE2A	chr1:152670839-152671918	0	0	0	1
XLOC_000709	LCE4A	chr1:152681522-152681910	0	0	0	1
XLOC_000710	C1orf68	chr1:152691997-152692905	0	0	0	1
XLOC_000711	KPRP	chr1:152730505-152734525	0	0	0	1
XLOC_000714	LCE1D	chr1:152769226-152770657	0	0	0	1
XLOC_000716	LCE1A	chr1:152799948-152800573	0	0	0	1
XLOC_000717	LCE6A	chr1:152815329-152816455	0	0	0	1
XLOC_000718	SMCP	chr1:152850797-152857522	0	0	0	1
XLOC_000719	IVL	chr1:152881038-152884362	0	0	0	1
XLOC_000720	SPRR4	chr1:152943127-152945065	0	0	0	1
XLOC_000721	SPRR1A	chr1:152956563-152958290	0	0	0	1
XLOC_000722	SPRR3	chr1:152974222-152976332	0	0	0	1
XLOC_000723	SPRR1B	chr1:153003678-153005376	0	0	0	1
XLOC_000724	LELP1	chr1:153175905-153177607	0	0	0	1
XLOC_000726	LOR	chr1:153232178-153234600	0	0	0	1
XLOC_000727	S100A9	chr1:153330329-153333505	0	0	0	1
XLOC_000728	S100A7A	chr1:153388999-153395707	0	0	0	1
XLOC_000739	AQP10	chr1:154293591-154297807	0	0	0	1
XLOC_000742	TDRD10	chr1:154474694-154520623	0	0	0	1
XLOC_000745	MIR4258	chr1:154947117-154951725	0	0	0	1
XLOC_000756	MIR92B	chr1:155164967-155165063	0	0	0	1
XLOC_000776	RHBG	chr1:156338979-156355013	0	0	0	1
XLOC_000777	TTC24	chr1:156549518-156556562	0	0	0	1
XLOC_000786	CYCSF52	chr1:157094458-157108383	0	0	0	1
XLOC_000789	CD1A	chr1:158223926-158228058	0	0	0	1
XLOC_000790	CD1C	chr1:158259562-158264564	0	0	0	1
XLOC_000791	CD1E	chr1:158323485-158327343	0	0	0	1
XLOC_000792	OR10K1	chr1:158435351-158436293	0	0	0	1
XLOC_000793	OR10R2	chr1:158449667-158450675	0	0	0	1
XLOC_000794	OR10Z1	chr1:158576228-158577170	0	0	0	1
XLOC_000795	OR6K6	chr1:158724605-158725637	0	0	0	1
XLOC_000796	MNDA	chr1:158801167-158819270	0	0	0	1
XLOC_000797	PYHIN1	chr1:158901336-158946845	0	0	0	1
XLOC_000799	CADM3	chr1:159141376-159172932	0	0	0	1
XLOC_000800	DARC	chr1:159173802-159176290	0	0	0	1
XLOC_000801	FCER1A	chr1:159259503-159278014	0	0	0	1
XLOC_000802	OR10J1	chr1:159409511-159410600	0	0	0	1
XLOC_000803	APCS	chr1:159557615-159558667	0	0	0	1

XLOC_000805	FCRL6	chr1:159772172-159786047	0	0	0	1
XLOC_000806	SLAMF8	chr1:159796478-159832447	0	0	0	1
XLOC_000807	LOC100505633	chr1:159931013-159948876	0	0	0	1
XLOC_000810	ATP1A4	chr1:160121351-160156767	0	0	0	1
XLOC_000816	VANGL2	chr1:160370363-160398466	0	0	0	1
XLOC_000818	LY9	chr1:160765863-160798046	0	0	0	1
XLOC_000827	PCP4L1	chr1:161228516-161255240	0	0	0	1
XLOC_000829	FCGR2A	chr1:161475204-161489360	0	0	0	1
XLOC_000839	MIR4654	chr1:162039580-162339813	0	0	0	1
XLOC_000840	MIR556	chr1:162039580-162339813	0	0	0	1
XLOC_000849	LRRC52	chr1:165446078-165551347	0	0	0	1
XLOC_000853	FMO9P	chr1:166573152-166594473	0	0	0	1
XLOC_000856	DUSP27	chr1:167064086-167098403	0	0	0	1
XLOC_000864	MIR557	chr1:168344761-168344856	0	0	0	1
XLOC_000866	LINC00626	chr1:168756178-168762126	0	0	0	1
XLOC_000870	METTL11B	chr1:170115187-170136923	0	0	0	1
XLOC_000872	PRRX1	chr1:170633312-170708547	0	0	0	1
XLOC_000873	MROH9	chr1:170904611-171033906	0	0	0	1
XLOC_000874	FMO3	chr1:171060017-171086956	0	0	0	1
XLOC_000875	MIR1295B	chr1:171060017-171086956	0	0	0	1
XLOC_000876	FMO6P	chr1:171106878-171130703	0	0	0	1
XLOC_000877	FMO2	chr1:171154387-171181822	0	0	0	1
XLOC_000878	FMO1	chr1:171217662-171255113	0	0	0	1
XLOC_000884	MIR3120	chr1:171810620-172381857	0	0	0	1
XLOC_000887	FASLG	chr1:172628184-172636012	0	0	0	1
XLOC_000889	LOC730159	chr1:173577474-173639007	0	0	0	1
XLOC_000897	TNN	chr1:175036993-175117203	0	0	0	1
XLOC_000899	FAM5B	chr1:177140632-177251556	0	0	0	1
XLOC_000901	TEX35	chr1:178482211-178492636	0	0	0	1
XLOC_000903	MIR4424	chr1:178646883-178646966	0	0	0	1
XLOC_000919	GM140	chr1:181205523-181207740	0	0	0	1
XLOC_000920	CACNA1E	chr1:181452685-181775927	0	0	0	1
XLOC_000921	LINC00272	chr1:182376755-182383946	0	0	0	1
XLOC_000922	RGSL1	chr1:182419255-182529733	0	0	0	1
XLOC_000923	LOC284648	chr1:182584274-182585766	0	0	0	1
XLOC_000934	HMCN1	chr1:185703682-186446656	0	0	0	1
XLOC_000939	LOC440704	chr1:190594019-190770788	0	0	0	1
XLOC_000940	RGS18	chr1:192127591-192154946	0	0	0	1
XLOC_000941	RGS21	chr1:192286121-192336414	0	0	0	1
XLOC_000942	RGS1	chr1:192544856-192549156	0	0	0	1
XLOC_000943	RGS13	chr1:192605267-192629446	0	0	0	1
XLOC_000947	MIR1278	chr1:193091087-193223942	0	0	0	1
XLOC_000948	CFH	chr1:196621007-196716634	0	0	0	1
XLOC_000949	CFHR3	chr1:196743929-196763203	0	0	0	1
XLOC_000950	CFHR1	chr1:196788860-196801316	0	0	0	1
XLOC_000951	CFHR4	chr1:196857143-196887843	0	0	0	1
XLOC_000952	CFHR2	chr1:196912933-196928356	0	0	0	1
XLOC_000953	CFHR5	chr1:196946666-196978803	0	0	0	1
XLOC_000954	CRB1	chr1:197170591-197447586	0	0	0	1
XLOC_000956	LHX9	chr1:197881634-197899273	0	0	0	1
XLOC_000963	IGFN1	chr1:201159952-201198080	0	0	0	1
XLOC_000967	MIR5191	chr1:201617449-201796103	0	0	0	1
XLOC_000968	MIR1231	chr1:201617449-201796103	0	0	0	1
XLOC_000974	GPR37L1	chr1:202092028-202098634	0	0	0	1
XLOC_000979	LOC641515	chr1:202794328-202795427	0	0	0	1
XLOC_000986	OPTC	chr1:203463270-203478077	0	0	0	1
XLOC_000988	SNORA77	chr1:203595914-203713206	0	0	0	1
XLOC_000989	LINC00260	chr1:203595914-203713206	0	0	0	1
XLOC_000999	LEMD1-AS1	chr1:205342379-205391214	0	0	0	1
XLOC_001004	AVPR1B	chr1:206224282-206231482	0	0	0	1
XLOC_001005	CTSE	chr1:206317458-206332104	0	0	0	1
XLOC_001012	IL20	chr1:207039153-207042566	0	0	0	1
XLOC_001013	IL24	chr1:207070787-207095376	0	0	0	1
XLOC_001015	C4BPP	chr1:207262211-207273337	0	0	0	1
XLOC_001016	C4BPA	chr1:207277606-207318317	0	0	0	1
XLOC_001018	CR2	chr1:207627644-207663246	0	0	0	1
XLOC_001019	CR1	chr1:207669472-207815110	0	0	0	1
XLOC_001020	CR1L	chr1:207818457-207897036	0	0	0	1
XLOC_001023	MIR205HG	chr1:209602167-209605892	0	0	0	1
XLOC_001024	CAMK1G	chr1:209757044-209787284	0	0	0	1
XLOC_001026	HSD11B1	chr1:209859524-209908296	0	0	0	1
XLOC_001027	TRAF3IP3	chr1:209929393-209957890	0	0	0	1
XLOC_001029	SYT14	chr1:210111518-210337633	0	0	0	1
XLOC_001030	SERTAD4	chr1:210404803-210416440	0	0	0	1
XLOC_001036	MIR3122	chr1:212113740-212278187	0	0	0	1
XLOC_001038	SNORA16B	chr1:212458878-212535206	0	0	0	1
XLOC_001050	KCNK2	chr1:215178884-215410436	0	0	0	1
XLOC_001053	LINC00210	chr1:218066241-218094146	0	0	0	1
XLOC_001057	RNU5F-1	chr1:220046618-220321383	0	0	0	1

XLOC_001059	MARK1	chr1:220701567-220837795	0	0	0	1
XLOC_001068	C1orf65	chr1:223566714-223568812	0	0	0	1
XLOC_001085	PRSS38	chr1:228003417-22803417	0	0	0	1
XLOC_001086	WNT3A	chr1:228194722-228248972	0	0	0	1
XLOC_001088	MIR3620	chr1:228270360-228286913	0	0	0	1
XLOC_001094	MIR4666A	chr1:228649774-228649852	0	0	0	1
XLOC_001101	CAPN9	chr1:230883129-230937745	0	0	0	1
XLOC_001107	MAP10	chr1:232940637-232946092	0	0	0	1
XLOC_001111	MIR4427	chr1:233749749-233808255	0	0	0	1
XLOC_001113	MIR4671	chr1:234040678-234460262	0	0	0	1
XLOC_001115	LINC00184	chr1:234765056-234770525	0	0	0	1
XLOC_001122	ACTN2	chr1:236849769-236927555	0	0	0	1
XLOC_001125	LOC100130331	chr1:238025474-238091615	0	0	0	1
XLOC_001127	RPS7P5	chr1:240170823-240176561	0	0	0	1
XLOC_001128	FMN2	chr1:240255184-240638485	0	0	0	1
XLOC_001129	MIR3123	chr1:240938816-241520475	0	0	0	1
XLOC_001131	WDR64	chr1:241815579-241965432	0	0	0	1
XLOC_001134	MIR4677	chr1:243419306-244006885	0	0	0	1
XLOC_001137	C1orf100	chr1:244515936-244552385	0	0	0	1
XLOC_001148	OR2W5	chr1:247654369-24765571	0	0	0	1
XLOC_001149	GCSAML	chr1:247712450-247739845	0	0	0	1
XLOC_001150	OR2G2	chr1:247751661-247752615	0	0	0	1
XLOC_001151	OR2G3	chr1:247768887-247769817	0	0	0	1
XLOC_001153	OR2W3	chr1:248058888-248059832	0	0	0	1
XLOC_001154	OR2T8	chr1:248084319-248085255	0	0	0	1
XLOC_001155	OR2L13	chr1:248100492-248264222	0	0	0	1
XLOC_001156	OR2L8	chr1:248100492-248264222	0	0	0	1
XLOC_001157	OR2AK2	chr1:248100492-248264222	0	0	0	1
XLOC_001158	OR2L1P	chr1:248100492-248264222	0	0	0	1
XLOC_001159	OR2L5	chr1:248100492-248264222	0	0	0	1
XLOC_001160	OR2L2	chr1:248100492-248264222	0	0	0	1
XLOC_001161	OR2L3	chr1:248100492-248264222	0	0	0	1
XLOC_001162	OR2M1P	chr1:248285437-248286082	0	0	0	1
XLOC_001163	OR2M5	chr1:248308449-248309385	0	0	0	1
XLOC_001164	OR2M2	chr1:248343287-248344331	0	0	0	1
XLOC_001165	OR2M3	chr1:248366369-248367305	0	0	0	1
XLOC_001166	OR2M4	chr1:248402230-248403166	0	0	0	1
XLOC_001167	OR14C36	chr1:248512076-248513015	0	0	0	1
XLOC_001168	OR2T4	chr1:248524882-248525925	0	0	0	1
XLOC_001169	OR2T6	chr1:248550909-248551835	0	0	0	1
XLOC_001170	OR2T1	chr1:248569295-248570405	0	0	0	1
XLOC_001171	OR2T2	chr1:248616098-248617072	0	0	0	1
XLOC_001172	OR2T3	chr1:248636651-248637605	0	0	0	1
XLOC_001173	OR2T5	chr1:248651889-248652832	0	0	0	1
XLOC_001174	OR2G6	chr1:248684947-248685892	0	0	0	1
XLOC_001175	MIR3124	chr1:249120575-249120642	0	0	0	1
XLOC_001179	FAM138F	chr1:34610-36081	0	0	0	1
XLOC_001181	OR4F3	chr1:621095-622034	0	0	0	1
XLOC_001192	TNFRSF18	chr1:1138887-1142089	0	0	0	1
XLOC_001207	C1orf233	chr1:1533387-1535476	0	0	0	1
XLOC_001220	HES5	chr1:2460183-2461684	0	0	0	1
XLOC_001227	MIR551A	chr1:3404505-3528059	0	0	0	1
XLOC_001233	MIR4689	chr1:5922731-5922801	0	0	0	1
XLOC_001241	MIR4252	chr1:6484847-6521004	0	0	0	1
XLOC_001251	SLC2A7	chr1:9063358-9086404	0	0	0	1
XLOC_001254	MIR34A	chr1:9211726-9211836	0	0	0	1
XLOC_001255	C1orf200	chr1:9711789-9884550	0	0	0	1
XLOC_001270	NPPB	chr1:11917520-11918992	0	0	0	1
XLOC_001273	PRAMEF11	chr1:12884467-12891264	0	0	0	1
XLOC_001274	HNRNPCL1,LOC649330	chr1:12907235-12908578	0	0	0	1
XLOC_001275	PRAMEF4	chr1:12939032-12946025	0	0	0	1
XLOC_001276	PRAMEF10	chr1:12952726-12958094	0	0	0	1
XLOC_001277	PRAMEF6	chr1:12998301-13007406	0	0	0	1
XLOC_001278	PRAMEF5	chr1:13108513-13117751	0	0	0	1
XLOC_001279	LOC440563	chr1:13182959-13184326	0	0	0	1
XLOC_001280	PRAMEF3	chr1:13328195-13331692	0	0	0	1
XLOC_001281	PRAMEF8	chr1:13386646-13390765	0	0	0	1
XLOC_001282	PRAMEF13,PRAMEF14	chr1:13447413-13452656	0	0	0	1
XLOC_001283	PRAMEF18	chr1:13474052-13477569	0	0	0	1
XLOC_001284	PRAMEF7,PRAMEF8	chr1:13607430-13611550	0	0	0	1
XLOC_001285	PRAMEF14	chr1:13668268-13673511	0	0	0	1
XLOC_001286	PRAMEF18	chr1:13694888-13698405	0	0	0	1
XLOC_001287	LRRC38	chr1:13801444-13840242	0	0	0	1
XLOC_001294	HSPB7	chr1:16340522-16345285	0	0	0	1
XLOC_001300	SPATA21	chr1:16725137-16763919	0	0	0	1
XLOC_001304	ESPNP	chr1:17017712-17046652	0	0	0	1
XLOC_001306	MIR3675	chr1:17185443-17185516	0	0	0	1
XLOC_001310	PADI2	chr1:17393255-17445948	0	0	0	1
XLOC_001312	TAS1R2	chr1:19166092-19186155	0	0	0	1

XLOC_001314	MIR4695	chr1:19197923-19229293	0	0	0	1
XLOC_001324	RNF186	chr1:20140521-20141771	0	0	0	1
XLOC_001325	PLA2G2E	chr1:20246799-20250110	0	0	0	1
XLOC_001326	PLA2G2A	chr1:20301923-20306932	0	0	0	1
XLOC_001327	PLA2G2D	chr1:20439142-20446059	0	0	0	1
XLOC_001328	PLA2G2C	chr1:20490483-20501687	0	0	0	1
XLOC_001329	LOC339505	chr1:20686293-20755287	0	0	0	1
XLOC_001342	MIR4253	chr1:23037330-23241823	0	0	0	1
XLOC_001356	CNR2	chr1:24200459-24239817	0	0	0	1
XLOC_001363	RUNX3	chr1:25226001-25291501	0	0	0	1
XLOC_001372	SLC30A2	chr1:26364513-26372604	0	0	0	1
XLOC_001373	TRIM63	chr1:26377795-26394125	0	0	0	1
XLOC_001375	AIM1L	chr1:26648349-26680621	0	0	0	1
XLOC_001376	ZNF683	chr1:26688124-26699266	0	0	0	1
XLOC_001380	C1orf172	chr1:27276046-27286901	0	0	0	1
XLOC_001385	CD164L2	chr1:27705595-27709805	0	0	0	1
XLOC_001388	FRG	chr1:27938800-27961727	0	0	0	1
XLOC_001405	MIR4420	chr1:31205314-31230683	0	0	0	1
XLOC_001408	SNORD103A	chr1:31404352-31538564	0	0	0	1
XLOC_001409	SNORD103A	chr1:31404352-31538564	0	0	0	1
XLOC_001410	SNORD85	chr1:31404352-31538564	0	0	0	1
XLOC_001417	MIR4254	chr1:32192717-32229648	0	0	0	1
XLOC_001436	DLGAP3	chr1:35331036-35370984	0	0	0	1
XLOC_001452	CSF3R	chr1:36931643-36948915	0	0	0	1
XLOC_001453	GRIK3	chr1:37261127-37499844	0	0	0	1
XLOC_001456	MIR5581	chr1:37955560-37980420	0	0	0	1
XLOC_001459	RSPO1	chr1:38076950-38100595	0	0	0	1
XLOC_001467	POU3F1	chr1:38509522-38512450	0	0	0	1
XLOC_001468	LOC339442	chr1:38674705-38680439	0	0	0	1
XLOC_001474	SNORA55	chr1:40026484-40042521	0	0	0	1
XLOC_001476	NT5C1A	chr1:40124792-40137710	0	0	0	1
XLOC_001494	CLDN19	chr1:43198763-43205925	0	0	0	1
XLOC_001524	KNCN	chr1:47004367-47069966	0	0	0	1
XLOC_001529	CYP4Z2P	chr1:47308766-47366147	0	0	0	1
XLOC_001530	CYP4A11	chr1:47394845-47407156	0	0	0	1
XLOC_001531	PDZK1IP1	chr1:47649260-47655771	0	0	0	1
XLOC_001532	TAL1	chr1:47681962-47695443	0	0	0	1
XLOC_001536	SKINTL	chr1:48567386-48648100	0	0	0	1
XLOC_001538	AGBL4	chr1:48998526-50489626	0	0	0	1
XLOC_001539	BEND5	chr1:48998526-50489626	0	0	0	1
XLOC_001552	SLC1A7	chr1:53552854-53608289	0	0	0	1
XLOC_001556	SLC25A3P1	chr1:53904042-53905693	0	0	0	1
XLOC_001563	CDCP2	chr1:54604667-54618679	0	0	0	1
XLOC_001568	TTC22	chr1:55246751-55266941	0	0	0	1
XLOC_001572	C1orf168	chr1:57184476-57285369	0	0	0	1
XLOC_001573	C8B	chr1:57394882-57431688	0	0	0	1
XLOC_001574	DAB1	chr1:57463578-58716211	0	0	0	1
XLOC_001580	MIR4711	chr1:59762624-60228402	0	0	0	1
XLOC_001581	CYP2J2	chr1:60358979-60392423	0	0	0	1
XLOC_001582	C1orf87	chr1:60456065-60539442	0	0	0	1
XLOC_001584	KANK4	chr1:62701836-62785083	0	0	0	1
XLOC_001589	MIR3671	chr1:65523437-65523525	0	0	0	1
XLOC_001590	MIR101-1	chr1:65524116-65524191	0	0	0	1
XLOC_001591	INSL5	chr1:67263423-67266942	0	0	0	1
XLOC_001599	MIR1262	chr1:68167148-68698284	0	0	0	1
XLOC_001600	RPE65	chr1:68894506-68915642	0	0	0	1
XLOC_001606	MIR186	chr1:71318035-71546972	0	0	0	1
XLOC_001607	NEGR1	chr1:71868624-72748277	0	0	0	1
XLOC_001608	NEGR1-IT1	chr1:71868624-72748277	0	0	0	1
XLOC_001610	C1orf173	chr1:75033794-75139422	0	0	0	1
XLOC_001612	SLC44A5	chr1:75667815-76076799	0	0	0	1
XLOC_001613	ASB17	chr1:76384557-76398116	0	0	0	1
XLOC_001618	ELTD1	chr1:79355448-79472495	0	0	0	1
XLOC_001619	MIR548AP	chr1:84259597-84464833	0	0	0	1
XLOC_001637	LOC100505768	chr1:87819209-87837338	0	0	0	1
XLOC_001643	GBP7	chr1:89597433-89641723	0	0	0	1
XLOC_001645	GBP5	chr1:89724633-89738544	0	0	0	1
XLOC_001648	BARHL2	chr1:91177578-91182794	0	0	0	1
XLOC_001650	HFM1	chr1:91726322-91870426	0	0	0	1
XLOC_001667	MIR137_MIR137HG	chr1:98453555-98515249	0	0	0	1
XLOC_001668	MIR2682	chr1:98453555-98515249	0	0	0	1
XLOC_001669	LPPR5	chr1:99355800-99614408	0	0	0	1
XLOC_001675	LOC100128787	chr1:101092605-101112560	0	0	0	1
XLOC_001678	RNU6-6	chr1:101806424-101806451	0	0	0	1
XLOC_001679	OLFM3	chr1:102268126-102462790	0	0	0	1
XLOC_001680	COL11A1	chr1:103342022-103574052	0	0	0	1
XLOC_001681	AMY1A	chr1:104230039-104239072	0	0	0	1
XLOC_001682	VAV3	chr1:108113781-108537222	0	0	0	1
XLOC_001684	NBPF4	chr1:108765962-108786702	0	0	0	1

XLOC_001685	HENMT1	chr1:109190909-109204148	0	0	0	1
XLOC_001692	MYBPHL	chr1:109834986-109849663	0	0	0	1
XLOC_001698	EPS8L3	chr1:110292701-110306644	0	0	0	1
XLOC_001703	KCNA10	chr1:111059838-111061791	0	0	0	1
XLOC_001704	KCNA2	chr1:111136201-111174096	0	0	0	1
XLOC_001705	KCNA3	chr1:111214309-111217655	0	0	0	1
XLOC_001709	PGCP1	chr1:111927140-111932473	0	0	0	1
XLOC_001716	MIR4256	chr1:113004391-113004453	0	0	0	1
XLOC_001721	LOC643441	chr1:113739403-113748873	0	0	0	1
XLOC_001730	DENND2C	chr1:115127195-115212733	0	0	0	1
XLOC_001731	AMPD1	chr1:115215719-115238233	0	0	0	1
XLOC_001734	TSPAN2	chr1:115590632-115632121	0	0	0	1
XLOC_001735	NGF	chr1:115828536-115880851	0	0	0	1
XLOC_001744	SPAG17	chr1:118472371-118727844	0	0	0	1
XLOC_001749	HMGCS2	chr1:120290618-120311553	0	0	0	1
XLOC_001750	REG4	chr1:120336640-120354203	0	0	0	1
XLOC_001752	ADAM30	chr1:120436155-120439147	0	0	0	1
XLOC_001754	FCGR1B	chr1:120926127-120935944	0	0	0	1
XLOC_001760	PPIAL4B	chr1:144363461-144364244	0	0	0	1
XLOC_001763	LOC653513	chr1:144614958-144828811	0	0	0	1
XLOC_001771	PDZK1P1	chr1:145924387-145942613	0	0	0	1
XLOC_001776	LINC00624	chr1:146853913-146989693	0	0	0	1
XLOC_001779	PDZK1P1	chr1:147466093-147484331	0	0	0	1
XLOC_001781	MIR5087	chr1:147806602-147806673	0	0	0	1
XLOC_001782	FLJ39739	chr1:147906021-147931981	0	0	0	1
XLOC_001783	PPIAL4B	chr1:147954634-147955411	0	0	0	1
XLOC_001785	PPIAL4D	chr1:148201751-148202531	0	0	0	1
XLOC_001788	HIST2H3A	chr1:149812258-149812763	0	0	0	1
XLOC_001789	HIST2H2AA3	chr1:149813784-149814311	0	0	0	1
XLOC_001791	HIST2H4A	chr1:149832329-149832723	0	0	0	1
XLOC_001803	HORMAD1	chr1:150670534-150693364	0	0	0	1
XLOC_001816	SELENBP1	chr1:151336777-151345211	0	0	0	1
XLOC_001823	C2CD4D	chr1:151810338-151816641	0	0	0	1
XLOC_001824	THEM5	chr1:151819576-151826173	0	0	0	1
XLOC_001828	TCHHL1	chr1:152056619-152061541	0	0	0	1
XLOC_001829	TCHH	chr1:152078792-152087931	0	0	0	1
XLOC_001830	RPTN	chr1:152126070-152131704	0	0	0	1
XLOC_001833	FLG2	chr1:152321212-152332483	0	0	0	1
XLOC_001834	CRNN	chr1:152381718-152386751	0	0	0	1
XLOC_001835	LCE3E	chr1:152538174-152539223	0	0	0	1
XLOC_001836	LCE3D	chr1:152551859-152552981	0	0	0	1
XLOC_001837	LCE3A	chr1:152595309-152595573	0	0	0	1
XLOC_001839	SPRR2D	chr1:153012200-153013594	0	0	0	1
XLOC_001840	SPRR2A	chr1:153028595-153029981	0	0	0	1
XLOC_001841	SPRR2B	chr1:153042717-153044084	0	0	0	1
XLOC_001842	SPRR2E	chr1:153065610-153067001	0	0	0	1
XLOC_001843	SPRR2F	chr1:153084612-153085981	0	0	0	1
XLOC_001844	SPRR2C	chr1:153112593-153113961	0	0	0	1
XLOC_001845	SPRR2G	chr1:153122057-153123421	0	0	0	1
XLOC_001846	PGLYRP3	chr1:153270337-153283194	0	0	0	1
XLOC_001847	PGLYRP4	chr1:153302596-153321023	0	0	0	1
XLOC_001848	S100A12	chr1:153346183-153348073	0	0	0	1
XLOC_001849	S100A8	chr1:153362507-153363664	0	0	0	1
XLOC_001850	S100A7L2	chr1:153409470-153412503	0	0	0	1
XLOC_001851	S100A7	chr1:153430219-153433131	0	0	0	1
XLOC_001869	MIR190B	chr1:154166140-154166213	0	0	0	1
XLOC_001898	SNORA42	chr1:155882835-155904181	0	0	0	1
XLOC_001899	SCARNA4	chr1:155882835-155904181	0	0	0	1
XLOC_001910	MIR9-1	chr1:156374054-156399184	0	0	0	1
XLOC_001922	MIR765	chr1:156904631-157015163	0	0	0	1
XLOC_001923	ETV3L	chr1:157061834-157069601	0	0	0	1
XLOC_001925	FCRL5	chr1:157483166-157522311	0	0	0	1
XLOC_001926	FCRL4	chr1:157543538-157567871	0	0	0	1
XLOC_001927	FCRL3	chr1:157647977-157670641	0	0	0	1
XLOC_001928	FCRL2	chr1:157715522-157746923	0	0	0	1
XLOC_001929	FCRL1	chr1:157764193-157789941	0	0	0	1
XLOC_001930	CD5L	chr1:157800703-157811634	0	0	0	1
XLOC_001931	LOC646268	chr1:158101833-158110431	0	0	0	1
XLOC_001932	CD1B	chr1:158297739-158301321	0	0	0	1
XLOC_001933	OR10T2	chr1:158368311-158369251	0	0	0	1
XLOC_001934	OR10K2	chr1:158389717-158390651	0	0	0	1
XLOC_001935	OR6Y1	chr1:158516917-158517893	0	0	0	1
XLOC_001936	OR6P1	chr1:158532440-158533394	0	0	0	1
XLOC_001937	OR10X1	chr1:158548708-158549681	0	0	0	1
XLOC_001939	OR6K2	chr1:158669467-158670444	0	0	0	1
XLOC_001940	OR6K3	chr1:158686957-158687901	0	0	0	1
XLOC_001941	OR6N1	chr1:158735533-158736471	0	0	0	1
XLOC_001942	OR6N2	chr1:158746471-158747423	0	0	0	1
XLOC_001943	AIM2	chr1:159032274-159046641	0	0	0	1

XLOC_001944	LOC100131825	chr1:159141376-159172932	0	0	0	1
XLOC_001945	OR10J3	chr1:159283459-159284445	0	0	0	1
XLOC_001946	OR10J5	chr1:159504867-159505797	0	0	0	1
XLOC_001947	CRP	chr1:159682078-159684375	0	0	0	1
XLOC_001952	SLAMF9	chr1:159921281-159924044	0	0	0	1
XLOC_001959	SLAMF6	chr1:160454819-160493052	0	0	0	1
XLOC_001961	SLAMF1	chr1:160579890-160617087	0	0	0	1
XLOC_001962	CD48	chr1:160648535-160681647	0	0	0	1
XLOC_001963	CD244	chr1:160799949-160832692	0	0	0	1
XLOC_001964	ITLN1	chr1:160846329-160854960	0	0	0	1
XLOC_001965	ITLN2	chr1:160914815-160924585	0	0	0	1
XLOC_001979	FCGR3A	chr1:161511550-161520413	0	0	0	1
XLOC_001980	FCGR3B	chr1:161592987-161601752	0	0	0	1
XLOC_001984	SH2D1B	chr1:162365055-162381921	0	0	0	1
XLOC_001987	LOC100505795	chr1:164528596-164821060	0	0	0	1
XLOC_001988	LMX1A	chr1:165171103-165325952	0	0	0	1
XLOC_001990	LOC400794	chr1:165446078-165551347	0	0	0	1
XLOC_001994	MIR921	chr1:166039255-166135958	0	0	0	1
XLOC_002004	LOC100505918	chr1:168369426-168391894	0	0	0	1
XLOC_002005	XCL2	chr1:168510002-168513231	0	0	0	1
XLOC_002006	DPT	chr1:168664694-168698442	0	0	0	1
XLOC_002011	SELP	chr1:169558087-169599377	0	0	0	1
XLOC_002012	SELL	chr1:169659805-169680843	0	0	0	1
XLOC_002013	SELE	chr1:169691780-169703220	0	0	0	1
XLOC_002017	MIR3119-1	chr1:170115187-170136922	0	0	0	1
XLOC_002018	LOC284688	chr1:170240545-170253345	0	0	0	1
XLOC_002019	MIR1295A	chr1:171060017-171086952	0	0	0	1
XLOC_002020	MYOC	chr1:171604556-171621772	0	0	0	1
XLOC_002022	DNM3OS	chr1:171810620-172381857	0	0	0	1
XLOC_002024	TNFSF18	chr1:173010359-173020103	0	0	0	1
XLOC_002027	SLC9C2	chr1:173469603-173572232	0	0	0	1
XLOC_002031	SNORD81	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002033	SNORD80	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002034	SNORD79	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002035	SNORD78	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002036	SNORD44	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002037	SNORD77	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002038	SNORD76	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002039	SNORD75	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002040	SNORD74	chr1:173832385-173837122	0	0	0	1
XLOC_002045	TNR	chr1:175291934-175712752	0	0	0	1
XLOC_002048	ASTN1	chr1:176830202-177134024	0	0	0	1
XLOC_002049	MIR488	chr1:176830202-177134024	0	0	0	1
XLOC_002051	LOC730102	chr1:177975274-178007142	0	0	0	1
XLOC_002053	ANGPTL1	chr1:178694299-178889237	0	0	0	1
XLOC_002059	MIR3121	chr1:180257351-180472022	0	0	0	1
XLOC_002066	RGS8	chr1:182615791-182642067	0	0	0	1
XLOC_002067	SHCBP1L	chr1:182868999-182922552	0	0	0	1
XLOC_002068	NMNAT2	chr1:183217371-183387634	0	0	0	1
XLOC_002070	NCF2	chr1:183524696-183560056	0	0	0	1
XLOC_002078	LOC100288079	chr1:185292978-185304177	0	0	0	1
XLOC_002079	MIR548F1	chr1:185703682-186446652	0	0	0	1
XLOC_002082	PTGS2	chr1:186640943-186649552	0	0	0	1
XLOC_002083	FAM5C	chr1:190066796-190446752	0	0	0	1
XLOC_002087	KCNT2	chr1:196194912-196577492	0	0	0	1
XLOC_002088	MIR4735	chr1:196194912-196577492	0	0	0	1
XLOC_002092	DENND1B	chr1:197473878-197744622	0	0	0	1
XLOC_002093	ATP6V1G3	chr1:198492351-198510072	0	0	0	1
XLOC_002094	LOC100131234	chr1:198777131-198906552	0	0	0	1
XLOC_002095	MIR181B1	chr1:198777131-198906552	0	0	0	1
XLOC_002096	MIR181A1	chr1:198777131-198906552	0	0	0	1
XLOC_002102	CACNA1S	chr1:201008639-201081694	0	0	0	1
XLOC_002105	TNNT2	chr1:201328135-201346822	0	0	0	1
XLOC_002106	LAD1	chr1:201349965-201368662	0	0	0	1
XLOC_002107	TNNI1	chr1:201372894-201390874	0	0	0	1
XLOC_002110	RNU6-79	chr1:201617449-201796102	0	0	0	1
XLOC_002123	MYBPH	chr1:203136938-203144942	0	0	0	1
XLOC_002124	CHI3L1	chr1:203148058-203155922	0	0	0	1
XLOC_002125	CHIT1	chr1:203185206-203198862	0	0	0	1
XLOC_002127	FMOD	chr1:203309751-203320282	0	0	0	1
XLOC_002128	LINC00303	chr1:204001574-204010392	0	0	0	1
XLOC_002142	KLHDC8A	chr1:205305192-205326211	0	0	0	1
XLOC_002144	MIR135B	chr1:205417429-205417522	0	0	0	1
XLOC_002151	PM20D1	chr1:205797149-205819274	0	0	0	1
XLOC_002152	SLC26A9	chr1:205882176-205912582	0	0	0	1
XLOC_002153	C1orf186	chr1:206238881-206288232	0	0	0	1
XLOC_002156	FAIM3	chr1:207070787-207095371	0	0	0	1
XLOC_002158	FCAMR	chr1:207131311-207143971	0	0	0	1
XLOC_002162	MIR29B2	chr1:207975787-207975862	0	0	0	1

XLOC_002163	CD34	chr1:208059882-20808468:	0	0	0	1
XLOC_002167	IRF6	chr1:209958967-20997952:	0	0	0	1
XLOC_002183	ESRRG	chr1:216676587-21731109:	0	0	0	1
XLOC_002185	LOC728463	chr1:218517537-21861796:	0	0	0	1
XLOC_002187	SLC30A10	chr1:220046618-22032138:	0	0	0	1
XLOC_002190	MIR215	chr1:220046618-22032138:	0	0	0	1
XLOC_002191	MIR194-1	chr1:220046618-22032138:	0	0	0	1
XLOC_002193	MIR664,SNORA36B	chr1:220321609-22044584:	0	0	0	1
XLOC_002195	C1orf140	chr1:221503269-22150963:	0	0	0	1
XLOC_002205	MIR320B2	chr1:224415035-22451789:	0	0	0	1
XLOC_002207	MIR4742	chr1:224572844-22462200:	0	0	0	1
XLOC_002211	LEFTY1	chr1:226073981-22607684:	0	0	0	1
XLOC_002213	LEFTY2	chr1:226124297-22612908:	0	0	0	1
XLOC_002220	ZNF847P	chr1:227884732-22788540:	0	0	0	1
XLOC_002222	WNT9A	chr1:228109164-22813567:	0	0	0	1
XLOC_002223	MIR5008	chr1:228109164-22813567:	0	0	0	1
XLOC_002229	HIST3H3	chr1:228612545-22861302:	0	0	0	1
XLOC_002236	PGBD5	chr1:230457391-23056167:	0	0	0	1
XLOC_002241	LOC149373	chr1:231298673-23135731:	0	0	0	1
XLOC_002245	SNRPD2P2	chr1:231611509-23161227:	0	0	0	1
XLOC_002246	LINC00582	chr1:231664398-23217701:	0	0	0	1
XLOC_002247	DISC2	chr1:231664398-23217701:	0	0	0	1
XLOC_002251	LOC100506795	chr1:234663636-23466752:	0	0	0	1
XLOC_002257	MIR4753	chr1:235330209-23549153:	0	0	0	1
XLOC_002261	MIR1537	chr1:235824344-23603022:	0	0	0	1
XLOC_002262	NID1	chr1:236139131-23622848:	0	0	0	1
XLOC_002266	MT1P2	chr1:237167402-23716771:	0	0	0	1
XLOC_002267	ZP4	chr1:238025474-23809161:	0	0	0	1
XLOC_002268	LOC339535	chr1:238643683-23864931:	0	0	0	1
XLOC_002269	GREM2	chr1:240652872-24077546:	0	0	0	1
XLOC_002270	RGS7	chr1:240938816-24152047:	0	0	0	1
XLOC_002275	PLD5	chr1:242251688-24268799:	0	0	0	1
XLOC_002283	LOC255654	chr1:246679340-24668758:	0	0	0	1
XLOC_002290	MIR3916	chr1:247365268-24736536:	0	0	0	1
XLOC_002292	OR2B11	chr1:247614330-24761528:	0	0	0	1
XLOC_002293	OR2C3	chr1:247687980-24769714:	0	0	0	1
XLOC_002294	OR13G1	chr1:247835419-24783634:	0	0	0	1
XLOC_002295	OR6F1	chr1:247875130-24787605:	0	0	0	1
XLOC_002296	OR1C1	chr1:247920763-24792170:	0	0	0	1
XLOC_002297	OR14A16	chr1:247978101-24797903:	0	0	0	1
XLOC_002298	OR11L1	chr1:248004229-24800519:	0	0	0	1
XLOC_002299	OR2T33	chr1:248436153-24843711:	0	0	0	1
XLOC_002300	OR2T12	chr1:248457917-24845888:	0	0	0	1
XLOC_002301	OR2M7	chr1:248486931-24848787:	0	0	0	1
XLOC_002302	OR2T29	chr1:248721844-24872279:	0	0	0	1
XLOC_002303	OR2T34	chr1:248737101-24873805:	0	0	0	1
XLOC_002304	OR2T10	chr1:248756130-24875706:	0	0	0	1
XLOC_002305	OR2T11	chr1:248789478-24879042:	0	0	0	1
XLOC_002306	OR2T35	chr1:248801587-24880255:	0	0	0	1
XLOC_002307	OR2T27	chr1:248813231-24881418:	0	0	0	1
XLOC_002308	OR14I1	chr1:248844669-24884560:	0	0	0	1
XLOC_002309	LYPD8	chr1:248902716-24890315:	0	0	0	1
XLOC_002317	LINC00200	chr10:1205707-1210612	0	0	0	1
XLOC_002318	ADARB2-AS1	chr10:1223252-1779670	0	0	0	1
XLOC_002321	LINC00705	chr10:4692376-4720262	0	0	0	1
XLOC_002322	AKR1E2	chr10:4868368-4890251	0	0	0	1
XLOC_002323	AKR1C1	chr10:5005453-5020158	0	0	0	1
XLOC_002325	AKR1C4	chr10:5238797-5260910	0	0	0	1
XLOC_002326	UCN3	chr10:5406975-5416169	0	0	0	1
XLOC_002328	CALML3	chr10:5566923-5568225	0	0	0	1
XLOC_002333	MIR3155A	chr10:6186842-6277507	0	0	0	1
XLOC_002336	LINC00707	chr10:6821559-6884868	0	0	0	1
XLOC_002340	GATA3	chr10:8096666-8117164	0	0	0	1
XLOC_002342	ECHDC3	chr10:11784355-11806065	0	0	0	1
XLOC_002348	MIR4480	chr10:12391582-12871733	0	0	0	1
XLOC_002353	MIR1265	chr10:14478574-14478660	0	0	0	1
XLOC_002361	ST8SIA6-AS1	chr10:17362675-17496254	0	0	0	1
XLOC_002365	MIR511-1	chr10:17851361-17953178	0	0	0	1
XLOC_002367	MRC1	chr10:18098351-18200091	0	0	0	1
XLOC_002368	MIR511-2	chr10:18098351-18200091	0	0	0	1
XLOC_002369	SLC39A12	chr10:18240767-18332221	0	0	0	1
XLOC_002372	PLXDC2	chr10:20105371-20569115	0	0	0	1
XLOC_002373	MIR4675	chr10:20840898-20840975	0	0	0	1
XLOC_002374	NEBL-AS1	chr10:21068902-21463852	0	0	0	1
XLOC_002376	LOC100130992	chr10:22541000-22547477	0	0	0	1
XLOC_002378	SPAG6	chr10:22634373-22706539	0	0	0	1
XLOC_002379	ARMC3	chr10:23216953-23326514	0	0	0	1
XLOC_002381	PTF1A	chr10:23481459-23483181	0	0	0	1
XLOC_002384	MIR603	chr10:23983674-24836772	0	0	0	1

XLOC_002387	MYO3A	chr10:26223001-26501465	0	0	0	1
XLOC_002388	GAD2	chr10:26505235-26593491	0	0	0	1
XLOC_002389	APBB1IP	chr10:26727265-26856732	0	0	0	1
XLOC_002391	LINC00202-2	chr10:26932036-26942383	0	0	0	1
XLOC_002396	MIR5586	chr10:28821421-28912041	0	0	0	1
XLOC_002398	LYZL1	chr10:29577989-29600158	0	0	0	1
XLOC_002406	ANKRD30A	chr10:37414784-37521495	0	0	0	1
XLOC_002412	ACTR3BP5	chr10:38989726-38991371	0	0	0	1
XLOC_002415	MIR5100	chr10:43493010-43493129	0	0	0	1
XLOC_002421	ZNF32-AS3	chr10:44124264-44170147	0	0	0	1
XLOC_002424	LINC00619	chr10:44340753-44346070	0	0	0	1
XLOC_002425	LINC00840	chr10:44354858-44390881	0	0	0	1
XLOC_002426	LINC00841	chr10:44404751-44465355	0	0	0	1
XLOC_002427	LOC100130539	chr10:44788197-44790097	0	0	0	1
XLOC_002428	TMEM72	chr10:45306471-45455137	0	0	0	1
XLOC_002431	ANKRD30BP3	chr10:45650109-45681489	0	0	0	1
XLOC_002432	MIR3156-1	chr10:45650109-45681489	0	0	0	1
XLOC_002435	GLUD1P7	chr10:46764667-46768346	0	0	0	1
XLOC_002437	GPRIN2	chr10:46993545-47000568	0	0	0	1
XLOC_002438	PPYR1	chr10:47083533-47088320	0	0	0	1
XLOC_002443	BMS1P2	chr10:48185838-48203780	0	0	0	1
XLOC_002445	FAM25C	chr10:48247661-48252125	0	0	0	1
XLOC_002446	ANXA8	chr10:48255203-48271368	0	0	0	1
XLOC_002451	FAM170B-AS1	chr10:50329883-50359592	0	0	0	1
XLOC_002453	CHAT	chr10:50817140-50873150	0	0	0	1
XLOC_002454	SLC18A3	chr10:50817140-50873150	0	0	0	1
XLOC_002455	C10orf53	chr10:50887683-50916956	0	0	0	1
XLOC_002456	MSMB	chr10:51549552-51562518	0	0	0	1
XLOC_002461	PRKG1	chr10:52750910-54073888	0	0	0	1
XLOC_002462	MIR605	chr10:52750910-54073888	0	0	0	1
XLOC_002463	DKK1	chr10:54074040-54077417	0	0	0	1
XLOC_002468	BICC1	chr10:60272903-60588845	0	0	0	1
XLOC_002470	PHYHIPL	chr10:60936347-61122661	0	0	0	1
XLOC_002472	C10orf107	chr10:63422718-63526091	0	0	0	1
XLOC_002474	MIR548AV	chr10:63661012-63856707	0	0	0	1
XLOC_002480	ANXA2P3	chr10:66585284-66586634	0	0	0	1
XLOC_002481	LRRTM3	chr10:67679724-69455949	0	0	0	1
XLOC_002487	SNORD98	chr10:70480970-70551309	0	0	0	1
XLOC_002508	CHST3	chr10:73724119-73773322	0	0	0	1
XLOC_002512	MIR4676	chr10:74451888-74647452	0	0	0	1
XLOC_002513	OIT3	chr10:74653338-74692787	0	0	0	1
XLOC_002528	ZNF503-AS1	chr10:77056140-77121436	0	0	0	1
XLOC_002538	SFTPA1	chr10:81370694-81375199	0	0	0	1
XLOC_002541	LOC100288974,MBL1P	chr10:81664653-81691557	0	0	0	1
XLOC_002549	NRG3	chr10:83635069-84746935	0	0	0	1
XLOC_002551	C10orf99	chr10:85933553-85945050	0	0	0	1
XLOC_002552	CDHR1	chr10:85954411-85979376	0	0	0	1
XLOC_002553	RGR	chr10:86004808-86018944	0	0	0	1
XLOC_002554	LINC00858	chr10:86039735-86054415	0	0	0	1
XLOC_002556	GRID1-AS1	chr10:87337487-88126250	0	0	0	1
XLOC_002562	FAM25A	chr10:88780045-88784487	0	0	0	1
XLOC_002567	MIR4678	chr10:89263637-89263711	0	0	0	1
XLOC_002572	LIPJ	chr10:90346518-90366733	0	0	0	1
XLOC_002573	LIPF	chr10:90424145-90438572	0	0	0	1
XLOC_002574	LIPK	chr10:90484300-90512513	0	0	0	1
XLOC_002575	LIPN	chr10:90521162-90537999	0	0	0	1
XLOC_002576	LIPM	chr10:90562486-90611732	0	0	0	1
XLOC_002579	MIR4679-1	chr10:90823091-90823168	0	0	0	1
XLOC_002582	IFIT1B	chr10:91137812-91144962	0	0	0	1
XLOC_002586	LOC643529	chr10:91589249-91600618	0	0	0	1
XLOC_002588	LINC00502	chr10:92805564-92821916	0	0	0	1
XLOC_002596	HHEX	chr10:94449680-94455408	0	0	0	1
XLOC_002598	CYP26C1	chr10:94821020-94828454	0	0	0	1
XLOC_002602	PDE6C	chr10:95372344-95425429	0	0	0	1
XLOC_002603	LG11	chr10:95517565-95557916	0	0	0	1
XLOC_002609	CYP2C19	chr10:96522462-96612671	0	0	0	1
XLOC_002611	C10orf129	chr10:96953956-96988686	0	0	0	1
XLOC_002617	DNTT	chr10:98064084-98098321	0	0	0	1
XLOC_002620	LOC100505540	chr10:98757794-99052430	0	0	0	1
XLOC_002625	ANKRD2	chr10:99322255-99343641	0	0	0	1
XLOC_002628	MIR5692C2	chr10:99344101-99372555	0	0	0	1
XLOC_002635	NKX2-3	chr10:101292689-10129628	0	0	0	1
XLOC_002647	MIR608	chr10:102732285-1027472	0	0	0	1
XLOC_002652	TLX1	chr10:102891060-1028975	0	0	0	1
XLOC_002653	FLJ41350	chr10:102989350-1029986	0	0	0	1
XLOC_002661	ELOVL3	chr10:103986142-1039893	0	0	0	1
XLOC_002665	MIR146B	chr10:104196268-1041963	0	0	0	1
XLOC_002674	LOC729020	chr10:105005643-1050077	0	0	0	1
XLOC_002675	INA	chr10:105036919-1050501	0	0	0	1

XLOC_002685	SORCS3	chr10:106400858-1070249	0	0	0	1
XLOC_002686	RNU6-53	chr10:110930414-1109994	0	0	0	1
XLOC_002691	RBM20	chr10:112404154-1125992	0	0	0	1
XLOC_002695	TECTB	chr10:114043492-1140630	0	0	0	1
XLOC_002698	MIR4295	chr10:114206755-1145785	0	0	0	1
XLOC_002700	HABP2	chr10:115310589-1154238	0	0	0	1
XLOC_002705	TDRD1	chr10:115939028-1159920	0	0	0	1
XLOC_002706	VWA2	chr10:115999012-1160542	0	0	0	1
XLOC_002709	ATRNL1	chr10:116853123-1177084	0	0	0	1
XLOC_002710	CCDC172	chr10:118083939-1181395	0	0	0	1
XLOC_002711	PNLIPRP3	chr10:118187423-1182374	0	0	0	1
XLOC_002712	PNLIP	chr10:118305427-1183273	0	0	0	1
XLOC_002713	PNLIPRP1	chr10:118350489-1183686	0	0	0	1
XLOC_002716	KCNK18	chr10:118956999-1189698	0	0	0	1
XLOC_002718	EMX2	chr10:119243803-1193090	0	0	0	1
XLOC_002723	MIR4681	chr10:120967196-1212151	0	0	0	1
XLOC_002727	MIR4682	chr10:121718024-1217181	0	0	0	1
XLOC_002728	PPAPDC1A	chr10:122216465-1228068	0	0	0	1
XLOC_002729	MIR5694	chr10:122216465-1228068	0	0	0	1
XLOC_002734	MIR3941	chr10:124134093-1241918	0	0	0	1
XLOC_002735	ARMS2	chr10:124214178-1242168	0	0	0	1
XLOC_002740	FAM24A	chr10:124670216-1246726	0	0	0	1
XLOC_002746	GPR26	chr10:125425870-1254569	0	0	0	1
XLOC_002750	LOC100169752	chr10:127262939-1272670	0	0	0	1
XLOC_002753	MIR4484	chr10:127477146-1275118	0	0	0	1
XLOC_002757	NPS	chr10:129347612-1293509	0	0	0	1
XLOC_002758	FOXI2	chr10:129535537-1295394	0	0	0	1
XLOC_002770	LOC399829	chr10:134779037-1347900	0	0	0	1
XLOC_002771	GPR123	chr10:134901408-1349451	0	0	0	1
XLOC_002773	UTF1	chr10:135043777-1350450	0	0	0	1
XLOC_002774	VENTX	chr10:135051407-1350554	0	0	0	1
XLOC_002781	DUX2,DUX4,DUX4L2	chr10:135480367-1354984	0	0	0	1
XLOC_002784	MIR5699	chr10:320129-735608	0	0	0	1
XLOC_002788	ADARB2	chr10:1223252-1779670	0	0	0	1
XLOC_002789	LINC00700	chr10:2047666-2056542	0	0	0	1
XLOC_002790	LINC00701	chr10:2342512-2357268	0	0	0	1
XLOC_002793	LINC00704	chr10:4692376-4720262	0	0	0	1
XLOC_002794	AKR1C6P	chr10:4913858-4958465	0	0	0	1
XLOC_002795	AKR1C2	chr10:5029967-5060225	0	0	0	1
XLOC_002796	AKR1CL1	chr10:5196654-5227150	0	0	0	1
XLOC_002798	CALML5	chr10:5540657-5541533	0	0	0	1
XLOC_002803	IL2RA	chr10:6052656-6104333	0	0	0	1
XLOC_002804	MIR3155B	chr10:6186842-6277507	0	0	0	1
XLOC_002809	GATA3-AS1	chr10:8092412-8095447	0	0	0	1
XLOC_002811	LINC00710	chr10:10976902-10994126	0	0	0	1
XLOC_002812	CELF2-AS2	chr10:11047258-11378672	0	0	0	1
XLOC_002818	UCMA	chr10:13263766-13276328	0	0	0	1
XLOC_002831	ITGA8	chr10:15559087-15761770	0	0	0	1
XLOC_002837	ST8SIA6	chr10:17362675-17496254	0	0	0	1
XLOC_002839	LOC100129213	chr10:18240767-18332221	0	0	0	1
XLOC_002841	NEBL	chr10:21068902-21463852	0	0	0	1
XLOC_002842	C10orf113	chr10:21068902-21463852	0	0	0	1
XLOC_002844	MIR1915	chr10:21783420-21786213	0	0	0	1
XLOC_002850	C10orf67	chr10:23605519-23633772	0	0	0	1
XLOC_002854	GPR158-AS1	chr10:25447000-25891157	0	0	0	1
XLOC_002861	PTCHD3	chr10:27687116-27703297	0	0	0	1
XLOC_002862	MKX	chr10:27961802-28034778	0	0	0	1
XLOC_002866	LINC00837	chr10:29078239-29084979	0	0	0	1
XLOC_002868	MIR604	chr10:29746276-30024730	0	0	0	1
XLOC_002869	MIR938	chr10:29746276-30024730	0	0	0	1
XLOC_002870	KIAA1462	chr10:30301728-30348488	0	0	0	1
XLOC_002872	LYZL2	chr10:30900707-30918647	0	0	0	1
XLOC_002880	LINC00838	chr10:34048640-34061608	0	0	0	1
XLOC_002884	MTRNR2L7	chr10:37890365-37891859	0	0	0	1
XLOC_002889	LOC441666	chr10:42827313-42863493	0	0	0	1
XLOC_002897	CXCL12	chr10:44865604-44880545	0	0	0	1
XLOC_002904	ZFAND4	chr10:46111038-46168251	0	0	0	1
XLOC_002906	PTPN20A,PTPN20B	chr10:46550122-46641003	0	0	0	1
XLOC_002909	LINC00842	chr10:47096453-47151400	0	0	0	1
XLOC_002911	ANXA8	chr10:47157983-47174143	0	0	0	1
XLOC_002912	FAM25C	chr10:47177221-47181688	0	0	0	1
XLOC_002913	AGAP9	chr10:47191843-47213626	0	0	0	1
XLOC_002915	RBP3	chr10:48381486-48390991	0	0	0	1
XLOC_002917	GDF10	chr10:48425787-48439138	0	0	0	1
XLOC_002918	PTPN20A,PTPN20B	chr10:48737041-48827924	0	0	0	1
XLOC_002919	FRMPD2P1	chr10:48844035-48862688	0	0	0	1
XLOC_002921	FAM25C	chr10:49203372-49207825	0	0	0	1
XLOC_002923	FRMPD2	chr10:49364600-49482941	0	0	0	1
XLOC_002925	LRRC18	chr10:49893517-50191001	0	0	0	1

XLOC_002926	MIR4294	chr10:50193556-50193632	0	0	0	1
XLOC_002928	FAM170B	chr10:50329883-50359592	0	0	0	1
XLOC_002929	C10orf128	chr10:50363890-50396407	0	0	0	1
XLOC_002930	DRGX	chr10:50574160-50604062	0	0	0	1
XLOC_002932	OGDHL	chr10:50942686-50970425	0	0	0	1
XLOC_002942	PRKG1-AS1	chr10:52750910-54073888	0	0	0	1
XLOC_002943	MBL2	chr10:54525139-54531460	0	0	0	1
XLOC_002944	PCDH15	chr10:55562532-56561051	0	0	0	1
XLOC_002946	MIR3924	chr10:59064238-59064319	0	0	0	1
XLOC_002952	C10orf40	chr10:61717974-61720671	0	0	0	1
XLOC_002955	TMEM26	chr10:63166400-63213208	0	0	0	1
XLOC_002959	MIR1296	chr10:64926987-65226322	0	0	0	1
XLOC_002960	CTNNA3	chr10:67679724-69455949	0	0	0	1
XLOC_002969	NEUROG3	chr10:71331790-71333210	0	0	0	1
XLOC_002974	NPPFR1	chr10:72014712-72043450	0	0	0	1
XLOC_002978	TBATA	chr10:72530994-72545157	0	0	0	1
XLOC_002981	C10orf105	chr10:73156690-73575704	0	0	0	1
XLOC_002982	C10orf54	chr10:73156690-73575704	0	0	0	1
XLOC_002987	MIR1256	chr10:74119697-74385949	0	0	0	1
XLOC_002989	PLA2G12B	chr10:74694937-74714510	0	0	0	1
XLOC_003008	DUP1	chr10:76797593-76818272	0	0	0	1
XLOC_003017	SFTPA2	chr10:81315607-81320163	0	0	0	1
XLOC_003018	SFTPD	chr10:81697495-81708861	0	0	0	1
XLOC_003022	DYDC1	chr10:82095860-82127829	0	0	0	1
XLOC_003023	LRIT2	chr10:85980248-85985284	0	0	0	1
XLOC_003024	LRIT1	chr10:85991275-86001217	0	0	0	1
XLOC_003026	MIR346	chr10:87337487-88126250	0	0	0	1
XLOC_003031	LOC728218	chr10:89156330-89167457	0	0	0	1
XLOC_003034	RNLS	chr10:90033620-90343082	0	0	0	1
XLOC_003035	ANKRD22	chr10:90562486-90611732	0	0	0	1
XLOC_003038	MIR4679-2	chr10:90823091-90823168	0	0	0	1
XLOC_003039	CH25H	chr10:90965693-90967071	0	0	0	1
XLOC_003041	SLC16A12	chr10:91190050-91295313	0	0	0	1
XLOC_003043	MIR107	chr10:91339253-91405329	0	0	0	1
XLOC_003045	HTR7	chr10:92500575-92617671	0	0	0	1
XLOC_003049	PPP1R3C	chr10:93388196-93392858	0	0	0	1
XLOC_003054	RBP4	chr10:95351592-95360993	0	0	0	1
XLOC_003057	LOC100128054	chr10:95753745-96088148	0	0	0	1
XLOC_003059	CYP2C8	chr10:96796528-96829254	0	0	0	1
XLOC_003060	PDLIM1	chr10:96997324-97050905	0	0	0	1
XLOC_003065	MIR3157	chr10:97471535-97849992	0	0	0	1
XLOC_003067	OPALIN	chr10:98102974-98119092	0	0	0	1
XLOC_003078	SFRP5	chr10:99526507-99531756	0	0	0	1
XLOC_003079	CRTAC1	chr10:99609994-99790585	0	0	0	1
XLOC_003083	MIR4685	chr10:100175954-10020670	0	0	0	1
XLOC_003095	PKD2L1	chr10:102047902-10209024	0	0	0	1
XLOC_003100	TLX1NB	chr10:102849077-10289090	0	0	0	1
XLOC_003101	LBX1	chr10:102986732-10298877	0	0	0	1
XLOC_003103	MIR3158-2	chr10:103348088-10336947	0	0	0	1
XLOC_003111	PITX3	chr10:103989945-10400123	0	0	0	1
XLOC_003123	CALHM3	chr10:105232560-10523899	0	0	0	1
XLOC_003128	MIR609	chr10:105889645-10599217	0	0	0	1
XLOC_003129	MIR4482-1	chr10:106028093-10602811	0	0	0	1
XLOC_003131	SORCS1	chr10:108333420-10892444	0	0	0	1
XLOC_003139	GUCY2GP	chr10:114067935-11411631	0	0	0	1
XLOC_003142	MIR4483	chr10:115511212-11554211	0	0	0	1
XLOC_003151	VAX1	chr10:118888031-11889787	0	0	0	1
XLOC_003152	MIR3663	chr10:118927188-11892721	0	0	0	1
XLOC_003157	PRLHR	chr10:120352915-12035511	0	0	0	1
XLOC_003160	SNORA19	chr10:120794540-12084033	0	0	0	1
XLOC_003170	C10orf120	chr10:124457224-12445933	0	0	0	1
XLOC_003177	NKX1-2	chr10:126135997-12613851	0	0	0	1
XLOC_003181	MIR4296	chr10:126676417-12684962	0	0	0	1
XLOC_003182	TEX36	chr10:127344262-12737177	0	0	0	1
XLOC_003187	ADAM12	chr10:127702901-12807712	0	0	0	1
XLOC_003188	LINC00601	chr10:128102437-12811044	0	0	0	1
XLOC_003189	C10orf90	chr10:128113573-12821007	0	0	0	1
XLOC_003191	CLRN3	chr10:129676113-12969127	0	0	0	1
XLOC_003194	MIR4297	chr10:131633495-13176201	0	0	0	1
XLOC_003196	MIR378C	chr10:132760850-13276093	0	0	0	1
XLOC_003201	NKX6-2	chr10:134598319-13459953	0	0	0	1
XLOC_003202	TTC40	chr10:134621895-13475601	0	0	0	1
XLOC_003203	MIR202	chr10:135061014-13506112	0	0	0	1
XLOC_003206	CALY	chr10:135138927-13515047	0	0	0	1
XLOC_003207	FUOM	chr10:135168657-13517152	0	0	0	1
XLOC_003209	MIR3944	chr10:135175986-13518691	0	0	0	1
XLOC_003212	FRG2B	chr10:135438602-13544021	0	0	0	1
XLOC_003213	SCGB1C1	chr11:193079-194573	0	0	0	1
XLOC_003214	ODF3	chr11:196760-200258	0	0	0	1

XLOC_003239	MUC2	chr11:1074874-1104417	0	0	0	1
XLOC_003243	LOC338651	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003244	KRTAP5-5	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003245	FAM99A	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003247	SYT8	chr11:1855673-1858750	0	0	0	1
XLOC_003248	TNNI2	chr11:1860232-1862910	0	0	0	1
XLOC_003250	TNNT3	chr11:1940798-1959936	0	0	0	1
XLOC_003252	IGF2-AS	chr11:2150341-2182439	0	0	0	1
XLOC_003253	MIR4686	chr11:2194292-2194368	0	0	0	1
XLOC_003254	TSPAN32	chr11:2323242-2339430	0	0	0	1
XLOC_003260	MRGPRG-AS1	chr11:3239173-3244361	0	0	0	1
XLOC_003263	ART1	chr11:3666360-3685646	0	0	0	1
XLOC_003268	OR52K2	chr11:4470524-4471591	0	0	0	1
XLOC_003269	OR52K1	chr11:4510108-4511138	0	0	0	1
XLOC_003270	OR52M1	chr11:4566420-4567374	0	0	0	1
XLOC_003271	OR52I2	chr11:4608020-4609135	0	0	0	1
XLOC_003273	OR51D1	chr11:4660944-4662068	0	0	0	1
XLOC_003274	OR51E1	chr11:4665155-4676716	0	0	0	1
XLOC_003275	OR51F2	chr11:4842615-4843644	0	0	0	1
XLOC_003276	OR51T1	chr11:4903048-4904113	0	0	0	1
XLOC_003277	OR51A7	chr11:4928599-4929538	0	0	0	1
XLOC_003278	MMP26	chr11:5009423-5013659	0	0	0	1
XLOC_003279	OR51L1	chr11:5020212-5021160	0	0	0	1
XLOC_003280	OR52J3	chr11:5067755-5068691	0	0	0	1
XLOC_003281	OR51B6	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_003282	OR51M1	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_003283	OR51Q1	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_003284	OR51I2	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_003285	OR52D1	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_003286	OR52B6	chr11:5602106-5603114	0	0	0	1
XLOC_003289	OR56B1	chr11:5757677-5758768	0	0	0	1
XLOC_003290	OR52N4	chr11:5775922-5776959	0	0	0	1
XLOC_003291	OR52N2	chr11:5841565-5842531	0	0	0	1
XLOC_003292	OR52E4	chr11:5905522-5906461	0	0	0	1
XLOC_003293	OR56A3	chr11:5968576-5969524	0	0	0	1
XLOC_003295	OR52W1	chr11:6220453-6221416	0	0	0	1
XLOC_003298	CCKBR	chr11:6280903-6293357	0	0	0	1
XLOC_003303	OR2AG1	chr11:6806247-6807245	0	0	0	1
XLOC_003304	OR10A5	chr11:6866913-6867867	0	0	0	1
XLOC_003305	OR10A2	chr11:6890985-6891897	0	0	0	1
XLOC_003306	OR10A4	chr11:6897855-6898850	0	0	0	1
XLOC_003307	OR2D3	chr11:6942232-6943225	0	0	0	1
XLOC_003311	SYT9	chr11:7273180-7490276	0	0	0	1
XLOC_003314	OR5E1P	chr11:7870597-7871118	0	0	0	1
XLOC_003316	TUB	chr11:8060179-8190590	0	0	0	1
XLOC_003331	MRV11-AS1	chr11:10562782-10715535	0	0	0	1
XLOC_003339	RASSF10	chr11:13030969-13033653	0	0	0	1
XLOC_003347	OR7E14P	chr11:17073432-17074591	0	0	0	1
XLOC_003350	MYOD1	chr11:17741109-17743678	0	0	0	1
XLOC_003353	MRGPRX4	chr11:18194383-18195827	0	0	0	1
XLOC_003355	SAA1	chr11:18287807-18291523	0	0	0	1
XLOC_003364	MIR4486	chr11:19372270-20143147	0	0	0	1
XLOC_003367	SLC6A5	chr11:20620945-20676610	0	0	0	1
XLOC_003368	NELL1	chr11:20691116-21597229	0	0	0	1
XLOC_003369	ANO5	chr11:22214721-22304913	0	0	0	1
XLOC_003370	SLC17A6	chr11:22359666-22401046	0	0	0	1
XLOC_003372	LUZP2	chr11:24518515-25104186	0	0	0	1
XLOC_003373	ANO3	chr11:26353677-26684836	0	0	0	1
XLOC_003374	FIBIN	chr11:27015627-27018632	0	0	0	1
XLOC_003375	BBOX1	chr11:27062508-27149354	0	0	0	1
XLOC_003377	MIR610	chr11:28042162-28129746	0	0	0	1
XLOC_003379	FSHB	chr11:30252562-30256824	0	0	0	1
XLOC_003383	DKFZp686K1684	chr11:31806339-31908587	0	0	0	1
XLOC_003385	WT1-AS	chr11:32457284-32461620	0	0	0	1
XLOC_003398	EHF	chr11:34642587-34684834	0	0	0	1
XLOC_003400	MIR1343	chr11:34903842-35017675	0	0	0	1
XLOC_003405	MIR3973	chr11:35965611-36252841	0	0	0	1
XLOC_003411	MIR670	chr11:43581205-43581303	0	0	0	1
XLOC_003412	MIR129-2	chr11:43602943-43603033	0	0	0	1
XLOC_003417	ACCSL	chr11:44069530-44081527	0	0	0	1
XLOC_003422	LOC221122	chr11:44995452-44999578	0	0	0	1
XLOC_003424	LOC100507384	chr11:45743857-45746106	0	0	0	1
XLOC_003429	GYLTL1B	chr11:45943195-45950647	0	0	0	1
XLOC_003432	MIR4688	chr11:46354454-46402104	0	0	0	1
XLOC_003434	MIR3160-2	chr11:46417961-46615619	0	0	0	1
XLOC_003448	OR4B1	chr11:48238361-48239291	0	0	0	1
XLOC_003449	OR4X2	chr11:48266655-48267567	0	0	0	1
XLOC_003450	OR4X1	chr11:48285412-48286330	0	0	0	1
XLOC_003451	OR4S1	chr11:48327774-48328704	0	0	0	1

XLOC_003452	OR4C3	chr11:48346492-48347482	0	0	0	1
XLOC_003453	OR4A47	chr11:48510344-48511274	0	0	0	1
XLOC_003454	TRIM49B	chr11:49053151-49059529	0	0	0	1
XLOC_003455	LOC440040	chr11:49580079-49831969	0	0	0	1
XLOC_003456	OR4C13	chr11:49973942-49974971	0	0	0	1
XLOC_003457	LOC646813	chr11:50368317-50379802	0	0	0	1
XLOC_003458	OR4C46	chr11:51515281-51516211	0	0	0	1
XLOC_003459	TRIM48	chr11:55029657-55038595	0	0	0	1
XLOC_003460	OR4A16	chr11:55110676-55111663	0	0	0	1
XLOC_003461	OR4A15	chr11:55135359-55136394	0	0	0	1
XLOC_003462	OR4C15	chr11:55321782-55322895	0	0	0	1
XLOC_003463	OR4C16	chr11:55339603-55340536	0	0	0	1
XLOC_003464	OR4P4	chr11:55405833-55406772	0	0	0	1
XLOC_003465	OR4S2	chr11:55418379-55419315	0	0	0	1
XLOC_003466	OR4C6	chr11:55432642-55433572	0	0	0	1
XLOC_003467	OR5D13	chr11:55540913-55541858	0	0	0	1
XLOC_003468	OR5D14	chr11:55563031-55563976	0	0	0	1
XLOC_003469	OR5L1	chr11:55578942-55579878	0	0	0	1
XLOC_003470	OR5D18	chr11:55587105-55588047	0	0	0	1
XLOC_003471	OR5L2	chr11:55594694-55595630	0	0	0	1
XLOC_003472	OR5D16	chr11:55606227-55607214	0	0	0	1
XLOC_003473	TRIM51	chr11:55650772-55659284	0	0	0	1
XLOC_003474	OR5AS1	chr11:55797894-55798869	0	0	0	1
XLOC_003475	OR8I2	chr11:55860783-55861716	0	0	0	1
XLOC_003476	OR8H2	chr11:55872518-55873457	0	0	0	1
XLOC_003477	OR8H3	chr11:55889848-55890787	0	0	0	1
XLOC_003478	OR5J2	chr11:55944093-55945032	0	0	0	1
XLOC_003479	OR5T3	chr11:56019675-56020698	0	0	0	1
XLOC_003480	OR5T1	chr11:56043114-56044095	0	0	0	1
XLOC_003481	OR8K3	chr11:56085782-56086721	0	0	0	1
XLOC_003482	OR8K1	chr11:56113514-56114474	0	0	0	1
XLOC_003483	OR8J1	chr11:56127690-56128764	0	0	0	1
XLOC_003484	OR8U1,OR8U8	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_003485	OR5AR1	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_003486	OR9G9	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_003487	OR5AK2	chr11:56756388-56757318	0	0	0	1
XLOC_003488	OR5AK4P	chr11:56805008-56805935	0	0	0	1
XLOC_003489	LRR55	chr11:56949220-56959188	0	0	0	1
XLOC_003494	MIR130A	chr11:57408670-57408759	0	0	0	1
XLOC_003499	OR9Q1	chr11:57791352-57949038	0	0	0	1
XLOC_003500	OR6Q1	chr11:57791352-57949038	0	0	0	1
XLOC_003501	OR9Q2	chr11:57957905-57958990	0	0	0	1
XLOC_003502	OR1S1	chr11:57982216-57983194	0	0	0	1
XLOC_003504	GLYATL1	chr11:58695101-58825925	0	0	0	1
XLOC_003508	OR5AN1	chr11:59131931-59132867	0	0	0	1
XLOC_003509	OR5A1	chr11:59210641-59211589	0	0	0	1
XLOC_003510	OR4D6	chr11:59224433-59225378	0	0	0	1
XLOC_003511	OR4D10	chr11:59244902-59245838	0	0	0	1
XLOC_003512	OR4D11	chr11:59271048-59271984	0	0	0	1
XLOC_003513	OR4D9	chr11:59282385-59283330	0	0	0	1
XLOC_003516	PLAC1L	chr11:59807747-59815516	0	0	0	1
XLOC_003517	MS4A3	chr11:59824100-59838588	0	0	0	1
XLOC_003518	MS4A2	chr11:59856136-59865940	0	0	0	1
XLOC_003519	MS4A4A	chr11:60048013-60076445	0	0	0	1
XLOC_003520	MS4A6E	chr11:60102354-60108441	0	0	0	1
XLOC_003521	MS4A7	chr11:60145957-60163426	0	0	0	1
XLOC_003522	MS4A14	chr11:60163486-60185228	0	0	0	1
XLOC_003523	MS4A5	chr11:60197061-60215265	0	0	0	1
XLOC_003524	MS4A1	chr11:60223281-60238225	0	0	0	1
XLOC_003525	MS4A12	chr11:60260250-60274901	0	0	0	1
XLOC_003526	MS4A13	chr11:60282885-60310191	0	0	0	1
XLOC_003527	LINC00301	chr11:60383223-60454621	0	0	0	1
XLOC_003528	MS4A8B	chr11:60467046-60483285	0	0	0	1
XLOC_003529	MS4A15	chr11:60524339-60544204	0	0	0	1
XLOC_003532	ZP1	chr11:60635014-60643164	0	0	0	1
XLOC_003535	CD6	chr11:60739112-60787848	0	0	0	1
XLOC_003537	PGA3	chr11:60970983-60980350	0	0	0	1
XLOC_003538	PGA4	chr11:60989820-60999179	0	0	0	1
XLOC_003539	PGA5	chr11:61008643-61018929	0	0	0	1
XLOC_003545	MIR4488	chr11:61276067-61276129	0	0	0	1
XLOC_003546	LRR10B	chr11:61276271-61278490	0	0	0	1
XLOC_003554	SCGB1D1	chr11:61957709-61961009	0	0	0	1
XLOC_003555	SCGB2A1	chr11:61976139-61981411	0	0	0	1
XLOC_003556	SCGB1D2	chr11:62009723-62012280	0	0	0	1
XLOC_003557	SCGB2A2	chr11:62037629-62040628	0	0	0	1
XLOC_003559	SCGB1A1	chr11:62186506-62190678	0	0	0	1
XLOC_003570	SLC22A10	chr11:63014620-63330855	0	0	0	1
XLOC_003572	LGALS12	chr11:63014620-63330855	0	0	0	1
XLOC_003595	MIR1237	chr11:64126624-64139687	0	0	0	1

XLOC_003598	SLC22A12	chr11:64358281-64369825	0	0	0	1
XLOC_003605	SPDYC	chr11:64937706-64940688	0	0	0	1
XLOC_003616	MIR548AR	chr11:65282807-65282828	0	0	0	1
XLOC_003622	MIR4690	chr11:65383782-65404910	0	0	0	1
XLOC_003624	MIR4489	chr11:65405577-65418391	0	0	0	1
XLOC_003642	NPAS4	chr11:66188474-66194177	0	0	0	1
XLOC_003669	MIR4691	chr11:67798083-67804114	0	0	0	1
XLOC_003678	ANO1	chr11:69924407-70035652	0	0	0	1
XLOC_003681	MIR548K	chr11:70116805-70230607	0	0	0	1
XLOC_003691	DEFB108B	chr11:71544245-71548608	0	0	0	1
XLOC_003698	FOLR2	chr11:71927818-71932994	0	0	0	1
XLOC_003700	MIR4692	chr11:72465773-72504750	0	0	0	1
XLOC_003715	SLCO2B1	chr11:74862031-74917445	0	0	0	1
XLOC_003716	TPBGL	chr11:74951949-74954749	0	0	0	1
XLOC_003721	MOGAT2	chr11:75428933-75442331	0	0	0	1
XLOC_003727	B3GNT6	chr11:76745434-76753005	0	0	0	1
XLOC_003733	THRSP	chr11:77726760-77850699	0	0	0	1
XLOC_003741	CCDC83	chr11:85566143-85631051	0	0	0	1
XLOC_003748	GRM5-AS1	chr11:88237743-88796816	0	0	0	1
XLOC_003749	TYR	chr11:88911039-89028927	0	0	0	1
XLOC_003750	FOLH1B	chr11:89392464-89431886	0	0	0	1
XLOC_003751	TRIM77	chr11:89443466-89451040	0	0	0	1
XLOC_003752	MIR5692A1	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_003753	TRIM53AP	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_003754	TRIM49D1P,TRIM49D2P	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_003755	TRIM64	chr11:89701671-89707240	0	0	0	1
XLOC_003756	TRIM49C	chr11:89764273-89775193	0	0	0	1
XLOC_003757	UBTFL1	chr11:89819117-89820299	0	0	0	1
XLOC_003759	FAT3	chr11:92085261-92629635	0	0	0	1
XLOC_003760	MTNR1B	chr11:92702788-92715948	0	0	0	1
XLOC_003761	CCDC67	chr11:93063882-93171636	0	0	0	1
XLOC_003768	FOLR4	chr11:94038802-94040858	0	0	0	1
XLOC_003770	LOC643037	chr11:94245694-94265289	0	0	0	1
XLOC_003775	KDME	chr11:94758421-94760760	0	0	0	1
XLOC_003779	MIR1260B	chr11:95711439-96076344	0	0	0	1
XLOC_003781	CNTN5	chr11:98891705-100229616	0	0	0	1
XLOC_003784	LOC101054525	chr11:100900354-10103000	0	0	0	1
XLOC_003790	WTAPP1	chr11:102654406-10271434	0	0	0	1
XLOC_003792	MIR4693	chr11:103720633-10372071	0	0	0	1
XLOC_003793	DDI1	chr11:103777913-10403502	0	0	0	1
XLOC_003797	LOC643923	chr11:107461816-10753750	0	0	0	1
XLOC_003798	RAB39A	chr11:107799276-10783420	0	0	0	1
XLOC_003803	C11orf87	chr11:109292845-10929988	0	0	0	1
XLOC_003806	C11orf53	chr11:111126706-11115697	0	0	0	1
XLOC_003808	MIR4491	chr11:111218481-11121854	0	0	0	1
XLOC_003809	MIR34B	chr11:111383662-11138374	0	0	0	1
XLOC_003810	MIR34C	chr11:111384163-11138424	0	0	0	1
XLOC_003811	C11orf88	chr11:111385509-11140778	0	0	0	1
XLOC_003812	LAYN	chr11:111411232-11143247	0	0	0	1
XLOC_003826	CLDN25	chr11:113650517-11365120	0	0	0	1
XLOC_003827	HTR3B	chr11:113775517-11381728	0	0	0	1
XLOC_003828	HTR3A	chr11:113845796-11386103	0	0	0	1
XLOC_003829	ZBTB16	chr11:113930430-11412138	0	0	0	1
XLOC_003833	NXPE2	chr11:114549199-11457768	0	0	0	1
XLOC_003834	APOC3	chr11:116700623-11670378	0	0	0	1
XLOC_003842	TMPRSS4	chr11:117886486-11799058	0	0	0	1
XLOC_003843	CD3E	chr11:118175294-11818688	0	0	0	1
XLOC_003853	MIR4492	chr11:118754474-11878167	0	0	0	1
XLOC_003855	FOXR1	chr11:118842416-11885198	0	0	0	1
XLOC_003864	PDZD3	chr11:119056165-11906093	0	0	0	1
XLOC_003872	GRIK4	chr11:120531027-12085698	0	0	0	1
XLOC_003876	SORL1	chr11:121322911-12150447	0	0	0	1
XLOC_003880	LOC341056	chr11:122888273-12289037	0	0	0	1
XLOC_003882	OR8D4	chr11:123777138-12377808	0	0	0	1
XLOC_003883	OR4D5	chr11:123810323-12381128	0	0	0	1
XLOC_003884	OR10G4	chr11:123886281-12388727	0	0	0	1
XLOC_003885	OR10G9	chr11:123893719-12389468	0	0	0	1
XLOC_003886	OR10G8	chr11:123900329-12390128	0	0	0	1
XLOC_003888	OR8G2	chr11:124095397-12409637	0	0	0	1
XLOC_003889	OR8G1,OR8G5	chr11:124120422-12413578	0	0	0	1
XLOC_003890	OR8A1	chr11:124439964-12444094	0	0	0	1
XLOC_003891	PANX3	chr11:124481452-12449028	0	0	0	1
XLOC_003896	HEPN1	chr11:124789145-12480630	0	0	0	1
XLOC_003899	PKNOX2	chr11:125034558-12530328	0	0	0	1
XLOC_003903	PATE1	chr11:125616187-12561974	0	0	0	1
XLOC_003904	PATE3	chr11:125658005-12566148	0	0	0	1
XLOC_003905	PATE4	chr11:125703210-12570996	0	0	0	1
XLOC_003913	KIRREL3-AS2	chr11:126293395-12687078	0	0	0	1
XLOC_003914	KIRREL3-AS3	chr11:126872804-12687598	0	0	0	1

XLOC_003915	FLI1	chr11:128556429-12868316	0	0	0	1
XLOC_003922	ADAMTS15	chr11:130318868-13034655	0	0	0	1
XLOC_003923	C11orf44	chr11:130542850-13058725	0	0	0	1
XLOC_003925	LOC100128239	chr11:133902166-13391125	0	0	0	1
XLOC_003929	GLB1L3	chr11:134146274-13418945	0	0	0	1
XLOC_003943	MIR210	chr11:565656-568457	0	0	0	1
XLOC_003960	KRTAP5-2	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003961	KRTAP5-3	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003962	KRTAP5-4	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003963	FAM99B	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003966	MIR4298	chr11:1874199-1913493	0	0	0	1
XLOC_003970	MIR483	chr11:2150341-2182439	0	0	0	1
XLOC_003971	TH	chr11:2185158-2193035	0	0	0	1
XLOC_003972	ASCL2	chr11:2289727-2292182	0	0	0	1
XLOC_003973	C11orf21	chr11:2317506-2323143	0	0	0	1
XLOC_003983	MRGPRG	chr11:3239173-3244361	0	0	0	1
XLOC_003984	MRGPRE	chr11:3249040-3253616	0	0	0	1
XLOC_003991	OR52B4	chr11:4388492-4389616	0	0	0	1
XLOC_003993	C11orf40	chr11:4592652-4599050	0	0	0	1
XLOC_003995	OR51E2	chr11:4701400-4719076	0	0	0	1
XLOC_003996	OR51F1	chr11:4790208-4791147	0	0	0	1
XLOC_003997	OR52R1	chr11:4824662-4825610	0	0	0	1
XLOC_003998	OR51S1	chr11:4869466-4870438	0	0	0	1
XLOC_003999	OR51G2	chr11:4935948-4936893	0	0	0	1
XLOC_004000	OR51G1	chr11:4944603-4945569	0	0	0	1
XLOC_004001	OR51A4	chr11:4967388-4968330	0	0	0	1
XLOC_004002	OR51A2	chr11:4976001-4976943	0	0	0	1
XLOC_004003	OR52E2	chr11:5079879-5080857	0	0	0	1
XLOC_004004	OR52A5	chr11:5152921-5153872	0	0	0	1
XLOC_004005	OR52A1	chr11:5172660-5173599	0	0	0	1
XLOC_004006	OR51V1	chr11:5220964-5221930	0	0	0	1
XLOC_004007	HBB	chr11:5246695-5248301	0	0	0	1
XLOC_004008	HBD	chr11:5254058-5255858	0	0	0	1
XLOC_004014	OR51B2	chr11:5344527-5345582	0	0	0	1
XLOC_004017	UBQLN3	chr11:5528529-5531153	0	0	0	1
XLOC_004019	OR52H1	chr11:5565790-5566753	0	0	0	1
XLOC_004021	OR52N5	chr11:5798863-5799897	0	0	0	1
XLOC_004022	OR52N1	chr11:5809083-5810046	0	0	0	1
XLOC_004023	OR52E6	chr11:5862185-5863127	0	0	0	1
XLOC_004024	OR52E8	chr11:5877978-5878932	0	0	0	1
XLOC_004025	OR56A5	chr11:5988782-5989724	0	0	0	1
XLOC_004026	OR52L1	chr11:6007121-6008215	0	0	0	1
XLOC_004027	OR56A4	chr11:6023280-6024378	0	0	0	1
XLOC_004028	OR56A1	chr11:6047900-6048971	0	0	0	1
XLOC_004029	OR52B2	chr11:6190584-6191556	0	0	0	1
XLOC_004047	OVCH2	chr11:7710668-7727941	0	0	0	1
XLOC_004048	OR5P2	chr11:7817520-7818489	0	0	0	1
XLOC_004049	OR5P3	chr11:7846583-7847519	0	0	0	1
XLOC_004050	LOC283299	chr11:7872297-7927502	0	0	0	1
XLOC_004051	OR10A6	chr11:7949264-7950209	0	0	0	1
XLOC_004052	OR10A3	chr11:7960122-7961067	0	0	0	1
XLOC_004053	NLRP10	chr11:7981155-7985059	0	0	0	1
XLOC_004054	RIC3	chr11:8060179-8190590	0	0	0	1
XLOC_004055	LMO1	chr11:8245850-8290182	0	0	0	1
XLOC_004060	ASCL3	chr11:8959118-8964580	0	0	0	1
XLOC_004064	MIR5691	chr11:9041046-9113150	0	0	0	1
XLOC_004072	LYVE1	chr11:10562782-10715535	0	0	0	1
XLOC_004079	MIR4299	chr11:11678197-11678269	0	0	0	1
XLOC_004083	PTH	chr11:13513600-13517567	0	0	0	1
XLOC_004088	CALCA	chr11:14988214-14993832	0	0	0	1
XLOC_004094	ABCC8	chr11:17414431-17498449	0	0	0	1
XLOC_004099	SAA3P	chr11:18134018-18137679	0	0	0	1
XLOC_004100	SAA2,SAA2-SAA4,SAA4	chr11:18252901-18270221	0	0	0	1
XLOC_004106	PTPN5	chr11:18749474-18813389	0	0	0	1
XLOC_004107	MRGPRX1	chr11:18955359-18956549	0	0	0	1
XLOC_004108	MRGPRX2	chr11:19076002-19082228	0	0	0	1
XLOC_004109	CSRP3	chr11:19203576-19232118	0	0	0	1
XLOC_004111	NAV2-AS5	chr11:19372270-20143147	0	0	0	1
XLOC_004112	NAV2-AS4	chr11:19372270-20143147	0	0	0	1
XLOC_004114	MIR4694	chr11:19372270-20143147	0	0	0	1
XLOC_004115	DBX1	chr11:20177759-20181870	0	0	0	1
XLOC_004118	CCDC179	chr11:22868467-22881972	0	0	0	1
XLOC_004119	MUC15	chr11:26353677-26684836	0	0	0	1
XLOC_004126	KCNA4	chr11:30031287-30038577	0	0	0	1
XLOC_004132	WT1	chr11:32409321-32457081	0	0	0	1
XLOC_004142	SLC1A2	chr11:35272751-35441610	0	0	0	1
XLOC_004146	RAG2	chr11:36613492-36680817	0	0	0	1
XLOC_004147	LRRRC4C	chr11:40135750-41481186	0	0	0	1
XLOC_004148	LOC100507205	chr11:42209292-42275240	0	0	0	1

XLOC_004149	HNRNPKP3	chr11:43283053-43290919	0	0	0	1
XLOC_004150	LOC100507300	chr11:43902356-43942494	0	0	0	1
XLOC_004154	CHST1	chr11:45669238-45687206	0	0	0	1
XLOC_004160	MIR3160-1	chr11:46417961-46615619	0	0	0	1
XLOC_004164	MIR5582	chr11:46765083-46867859	0	0	0	1
XLOC_004165	SNORD67	chr11:46765083-46867859	0	0	0	1
XLOC_004170	MYBPC3	chr11:47352956-47374253	0	0	0	1
XLOC_004181	OR4C45	chr11:48366899-48373999	0	0	0	1
XLOC_004182	TRIM64C	chr11:49075265-49080664	0	0	0	1
XLOC_004183	FOLH1	chr11:49168186-49230222	0	0	0	1
XLOC_004184	OR4C12	chr11:50003008-50004071	0	0	0	1
XLOC_004185	LOC441601	chr11:50238998-50257633	0	0	0	1
XLOC_004186	OR4A5	chr11:51411377-51412448	0	0	0	1
XLOC_004187	TRIM51HP	chr11:55061178-55065708	0	0	0	1
XLOC_004188	OR4C11	chr11:55370829-55371874	0	0	0	1
XLOC_004189	OR5W2	chr11:55681125-55682058	0	0	0	1
XLOC_004190	OR5I1	chr11:55702931-55703876	0	0	0	1
XLOC_004191	OR10AG1	chr11:55735033-55735939	0	0	0	1
XLOC_004192	OR7E5P	chr11:55746178-55753881	0	0	0	1
XLOC_004193	OR5F1	chr11:55761156-55762101	0	0	0	1
XLOC_004194	OR8J3	chr11:55904246-55905194	0	0	0	1
XLOC_004195	OR8K5	chr11:55926869-55927793	0	0	0	1
XLOC_004196	OR5T2	chr11:55999581-56000661	0	0	0	1
XLOC_004197	OR8H1	chr11:56057602-56058538	0	0	0	1
XLOC_004198	OR5R1	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004199	OR5M9	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004200	OR5M3	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004201	OR5M8	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004202	OR5M11	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004203	OR5M10	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004204	OR5M1	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004205	OR5AP2	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004206	OR9G4	chr11:56510303-56511287	0	0	0	1
XLOC_004207	APLNR	chr11:57001051-57004927	0	0	0	1
XLOC_004210	PRG3	chr11:57144241-57148623	0	0	0	1
XLOC_004219	OR9I1	chr11:57791352-57949038	0	0	0	1
XLOC_004220	OR1S2	chr11:57970675-57971653	0	0	0	1
XLOC_004221	OR10Q1	chr11:57995353-57996390	0	0	0	1
XLOC_004222	OR10W1	chr11:58034263-58035732	0	0	0	1
XLOC_004223	OR5B17	chr11:58125597-58126542	0	0	0	1
XLOC_004224	OR5B3	chr11:58169937-58170882	0	0	0	1
XLOC_004225	OR5B2	chr11:58189737-58190786	0	0	0	1
XLOC_004226	OR5B12	chr11:58206592-58207646	0	0	0	1
XLOC_004227	OR5B21	chr11:58274648-58275578	0	0	0	1
XLOC_004229	GLYAT	chr11:58476229-58499447	0	0	0	1
XLOC_004230	GLYATL2	chr11:58601539-58611997	0	0	0	1
XLOC_004231	LOC283194	chr11:58695101-58825925	0	0	0	1
XLOC_004232	MPEG1	chr11:58939811-58980494	0	0	0	1
XLOC_004233	OR5A2	chr11:59189451-59190426	0	0	0	1
XLOC_004235	MIR3162	chr11:59341870-59383617	0	0	0	1
XLOC_004237	OR10V1	chr11:59480388-59481318	0	0	0	1
XLOC_004239	GIF	chr11:59596745-59612974	0	0	0	1
XLOC_004240	TCN1	chr11:59620280-59634041	0	0	0	1
XLOC_004241	MS4A6A	chr11:59939079-59952139	0	0	0	1
XLOC_004251	DKFZP434K028	chr11:61520120-61555989	0	0	0	1
XLOC_004254	MIR1908	chr11:61567096-61584529	0	0	0	1
XLOC_004258	SCGB1D4	chr11:62063753-62066536	0	0	0	1
XLOC_004278	SNORD31	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004279	SNORD30	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004281	SNORD28	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004282	SNORD27	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004283	SNORD26	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004284	SNORD25	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004286	SLC22A6	chr11:62744068-62752495	0	0	0	1
XLOC_004287	SLC22A8	chr11:62760295-62783317	0	0	0	1
XLOC_004288	SLC22A24	chr11:62847411-62911693	0	0	0	1
XLOC_004289	SLC22A25	chr11:62931295-62997124	0	0	0	1
XLOC_004290	MIR3680-2	chr11:63014620-63330855	0	0	0	1
XLOC_004291	HRASLS5	chr11:63014620-63330855	0	0	0	1
XLOC_004310	MIR192	chr11:64658608-64658718	0	0	0	1
XLOC_004311	MIR194-2	chr11:64658826-64658911	0	0	0	1
XLOC_004314	C11orf85	chr11:64705928-64727609	0	0	0	1
XLOC_004337	GAL3ST3	chr11:65808235-65816651	0	0	0	1
XLOC_004339	CD248	chr11:66081957-66084515	0	0	0	1
XLOC_004346	CTSF	chr11:66330934-66336047	0	0	0	1
XLOC_004356	GPR152	chr11:67218771-67220200	0	0	0	1
XLOC_004360	CABP2	chr11:67286417-67290899	0	0	0	1
XLOC_004363	TBX10	chr11:67398773-67407031	0	0	0	1
XLOC_004365	ALDH3B2	chr11:67429632-67448685	0	0	0	1

XLOC_004374	MRGPRD	chr11:68747489-68748455	0	0	0	1
XLOC_004375	MRGPRF	chr11:68771861-68780850	0	0	0	1
XLOC_004377	FGF19	chr11:69513005-69519106	0	0	0	1
XLOC_004378	FGF4	chr11:69587796-69590171	0	0	0	1
XLOC_004379	FGF3	chr11:69624735-69634192	0	0	0	1
XLOC_004381	MIR3664	chr11:70313960-70935808	0	0	0	1
XLOC_004384	KRTAP5-11	chr11:71292900-71293921	0	0	0	1
XLOC_004388	MIR3165	chr11:71709957-71823822	0	0	0	1
XLOC_004391	PHOX2A	chr11:71935881-71955220	0	0	0	1
XLOC_004394	MIR139	chr11:72287183-72385497	0	0	0	1
XLOC_004404	P4HA3	chr11:73977701-74022699	0	0	0	1
XLOC_004408	CHRD2	chr11:74407473-74442186	0	0	0	1
XLOC_004409	MIR4696	chr11:74407473-74442186	0	0	0	1
XLOC_004411	OR2AT4	chr11:74799795-74800758	0	0	0	1
XLOC_004413	MIR326	chr11:74971165-75062875	0	0	0	1
XLOC_004417	LOC283214	chr11:75469499-75479692	0	0	0	1
XLOC_004421	GUCY2EP	chr11:76391209-76432833	0	0	0	1
XLOC_004422	GDPD4	chr11:76927602-76998463	0	0	0	1
XLOC_004428	RNU6-83	chr11:77726760-77850699	0	0	0	1
XLOC_004433	TENM4	chr11:78364327-79151695	0	0	0	1
XLOC_004434	MIR708	chr11:78364327-79151695	0	0	0	1
XLOC_004435	MIR5579	chr11:78364327-79151695	0	0	0	1
XLOC_004436	MIR4300	chr11:81601782-81601878	0	0	0	1
XLOC_004437	FAM181B	chr11:82443045-82444906	0	0	0	1
XLOC_004440	SNORA70E	chr11:82692477-82782884	0	0	0	1
XLOC_004448	OR7E2P	chr11:86567972-86568996	0	0	0	1
XLOC_004452	GRM5	chr11:88237743-88796816	0	0	0	1
XLOC_004454	TRIM49	chr11:89530822-89541743	0	0	0	1
XLOC_004455	TRIM64B	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_004456	TRIM49D1P,TRIM49D2P	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_004457	TRIM53AP	chr11:89726708-89735676	0	0	0	1
XLOC_004459	MIR4490	chr11:90288941-90289025	0	0	0	1
XLOC_004464	SNORD6	chr11:93464668-93464739	0	0	0	1
XLOC_004467	SNORD5	chr11:93466393-93466466	0	0	0	1
XLOC_004469	MIR1304	chr11:93466839-93466930	0	0	0	1
XLOC_004481	JRKL-AS1	chr11:96176445-96240041	0	0	0	1
XLOC_004482	PGR	chr11:100900354-10103000	0	0	0	1
XLOC_004484	MIR3920	chr11:101322294-10145468	0	0	0	1
XLOC_004487	MMP7	chr11:102391238-10240147	0	0	0	1
XLOC_004488	MMP20	chr11:102447565-10249606	0	0	0	1
XLOC_004489	MMP27	chr11:102562414-10257646	0	0	0	1
XLOC_004490	MMP8	chr11:102582525-10259568	0	0	0	1
XLOC_004494	MMP12	chr11:102733463-10274576	0	0	0	1
XLOC_004495	MMP13	chr11:102813720-10282646	0	0	0	1
XLOC_004497	PDGFD	chr11:103777913-10403502	0	0	0	1
XLOC_004498	CASP12	chr11:104756444-10476938	0	0	0	1
XLOC_004504	CARD17	chr11:104963195-10497218	0	0	0	1
XLOC_004508	GUCY1A2	chr11:106544737-10688917	0	0	0	1
XLOC_004518	ARHGAP20	chr11:110447758-11058397	0	0	0	1
XLOC_004521	LOC100132078	chr11:111284966-11128897	0	0	0	1
XLOC_004522	BTG4	chr11:111338255-11138307	0	0	0	1
XLOC_004531	LOC100288346	chr11:112831968-11314918	0	0	0	1
XLOC_004532	DRD2	chr11:113280316-11334600	0	0	0	1
XLOC_004533	MIR4301	chr11:113280316-11334600	0	0	0	1
XLOC_004538	NXPE1	chr11:114392436-11443058	0	0	0	1
XLOC_004539	NXPE4	chr11:114441312-11446648	0	0	0	1
XLOC_004541	LOC283143	chr11:115626050-11563097	0	0	0	1
XLOC_004544	APOA5	chr11:116660085-11666318	0	0	0	1
XLOC_004545	APOA4	chr11:116691417-11669407	0	0	0	1
XLOC_004551	DSCAML1	chr11:117298488-11766797	0	0	0	1
XLOC_004552	FXYP2,FXYP6,FXYP6-FXYI	chr11:117690789-11774820	0	0	0	1
XLOC_004554	TMPPRS4-AS1	chr11:117886486-11799058	0	0	0	1
XLOC_004574	MFRP	chr11:119209651-11921738	0	0	0	1
XLOC_004579	LOC649133	chr11:120107348-12019068	0	0	0	1
XLOC_004581	MIR125B1	chr11:121959810-12207377	0	0	0	1
XLOC_004582	BLID	chr11:121959810-12207377	0	0	0	1
XLOC_004583	MIRLET7A2	chr11:121959810-12207377	0	0	0	1
XLOC_004584	MIR100	chr11:121959810-12207377	0	0	0	1
XLOC_004585	BSX	chr11:122848356-12285237	0	0	0	1
XLOC_004588	MIR4493	chr11:123252147-12325222	0	0	0	1
XLOC_004589	SCN3B	chr11:123499894-12352537	0	0	0	1
XLOC_004591	OR6X1	chr11:123624287-12362522	0	0	0	1
XLOC_004592	OR6M1	chr11:123676115-12367708	0	0	0	1
XLOC_004593	TMEM225	chr11:123753632-12375634	0	0	0	1
XLOC_004594	OR6T1	chr11:123813573-12381454	0	0	0	1
XLOC_004595	OR10S1	chr11:123847402-12384838	0	0	0	1
XLOC_004596	OR10G7	chr11:123908772-12390970	0	0	0	1
XLOC_004597	OR8D1	chr11:124179735-12418066	0	0	0	1
XLOC_004598	OR8D2	chr11:124189157-12419008	0	0	0	1

XLOC_004599	OR8B2	chr11:124252297-1242532	0	0	0	1
XLOC_004600	OR8B3	chr11:124266305-1242672	0	0	0	1
XLOC_004601	OR8B4	chr11:124293837-1242947	0	0	0	1
XLOC_004602	OR8B8	chr11:124310045-1243109	0	0	0	1
XLOC_004603	OR8B12	chr11:124412617-1244135	0	0	0	1
XLOC_004613	PATE2	chr11:125646027-1256487	0	0	0	1
XLOC_004619	KIRREL3	chr11:126293395-1268707	0	0	0	1
XLOC_004620	MIR3167	chr11:126293395-1268707	0	0	0	1
XLOC_004622	FLI1-AS1	chr11:128556429-1286831	0	0	0	1
XLOC_004633	SPATA19	chr11:133710516-1337153	0	0	0	1
XLOC_004640	IQSEC3	chr12:176048-287625	0	0	0	1
XLOC_004650	CACNA1C-IT3	chr12:2162415-2807115	0	0	0	1
XLOC_004664	GALNT8	chr12:4829751-4881892	0	0	0	1
XLOC_004666	KCNA1	chr12:5019072-5027422	0	0	0	1
XLOC_004667	KCNA5	chr12:5153084-5155954	0	0	0	1
XLOC_004668	NTF3	chr12:5541279-5604465	0	0	0	1
XLOC_004670	PLEKHG6	chr12:6419601-6437672	0	0	0	1
XLOC_004693	MIR200C	chr12:7072861-7072929	0	0	0	1
XLOC_004694	MIR141	chr12:7073259-7073354	0	0	0	1
XLOC_004700	ACSM4	chr12:7456927-7480969	0	0	0	1
XLOC_004701	DPPA3	chr12:7864088-7870152	0	0	0	1
XLOC_004702	NANOGNB	chr12:7917811-7926717	0	0	0	1
XLOC_004709	CLEC6A	chr12:8608590-8630926	0	0	0	1
XLOC_004711	RIMKLB	chr12:8850517-8929787	0	0	0	1
XLOC_004720	KLRF1	chr12:9980076-9997603	0	0	0	1
XLOC_004721	KLRF2	chr12:10034087-10048432	0	0	0	1
XLOC_004722	CLEC12A	chr12:10103914-10138194	0	0	0	1
XLOC_004723	CLEC12B	chr12:10163230-10171399	0	0	0	1
XLOC_004724	CLEC9A	chr12:10183275-10218565	0	0	0	1
XLOC_004725	TMEM52B	chr12:10331556-10344403	0	0	0	1
XLOC_004733	MIR1244-2	chr12:12264885-12264967	0	0	0	1
XLOC_004738	MIR613	chr12:12878850-12944399	0	0	0	1
XLOC_004742	MIR614	chr12:13068762-13068852	0	0	0	1
XLOC_004750	PDE6H	chr12:15125955-15134799	0	0	0	1
XLOC_004755	SKP1P2	chr12:17141680-17143562	0	0	0	1
XLOC_004756	MIR3974	chr12:17826232-17826328	0	0	0	1
XLOC_004757	PIK3C2G	chr12:18414473-18801352	0	0	0	1
XLOC_004758	CAPZA3	chr12:18891044-18892122	0	0	0	1
XLOC_004761	LOC100506393	chr12:20167618-20251802	0	0	0	1
XLOC_004762	PDE3A	chr12:20522178-20837041	0	0	0	1
XLOC_004773	MIR920	chr12:23685230-24715383	0	0	0	1
XLOC_004774	LRMP	chr12:25205180-25348094	0	0	0	1
XLOC_004789	LOC101055625	chr12:29542226-29650619	0	0	0	1
XLOC_004802	C12orf40	chr12:40019971-40115720	0	0	0	1
XLOC_004803	LRRK2	chr12:40618812-40763086	0	0	0	1
XLOC_004804	CNTN1	chr12:41086243-41466213	0	0	0	1
XLOC_004811	MIR4698	chr12:47581594-47581674	0	0	0	1
XLOC_004812	PCED1B	chr12:47602202-47630443	0	0	0	1
XLOC_004816	C12orf68	chr12:48577365-48579709	0	0	0	1
XLOC_004818	ANP32D	chr12:48866447-48866843	0	0	0	1
XLOC_004819	C12orf54	chr12:48876285-48890297	0	0	0	1
XLOC_004824	WNT1	chr12:49372235-49376396	0	0	0	1
XLOC_004835	AQP2	chr12:50344523-50352664	0	0	0	1
XLOC_004836	AQP5	chr12:50355278-50359465	0	0	0	1
XLOC_004845	TMPRSS12	chr12:51236700-51281663	0	0	0	1
XLOC_004847	HIGD1C	chr12:51347781-51364289	0	0	0	1
XLOC_004852	ANKRD33	chr12:52281792-52285505	0	0	0	1
XLOC_004878	HOXC12	chr12:54348713-54350350	0	0	0	1
XLOC_004881	MIR196A2	chr12:54385521-54385631	0	0	0	1
XLOC_004885	MIR615	chr12:54410641-54449814	0	0	0	1
XLOC_004891	MIR148B	chr12:54718873-54745635	0	0	0	1
XLOC_004894	MUCL1	chr12:55248298-55252174	0	0	0	1
XLOC_004895	NEUROD4	chr12:55413728-55423801	0	0	0	1
XLOC_004896	OR9K2	chr12:55523552-55524560	0	0	0	1
XLOC_004897	OR10A7	chr12:55614808-55615759	0	0	0	1
XLOC_004898	OR6C74	chr12:55641071-55642010	0	0	0	1
XLOC_004899	OR6C1	chr12:55714383-55715322	0	0	0	1
XLOC_004900	OR6C3	chr12:55725484-55726420	0	0	0	1
XLOC_004901	OR6C75	chr12:55758894-55759833	0	0	0	1
XLOC_004902	OR6C65	chr12:55794312-55795251	0	0	0	1
XLOC_004903	OR6C76	chr12:55820037-55820976	0	0	0	1
XLOC_004904	OR6C2	chr12:55845997-55846936	0	0	0	1
XLOC_004905	OR6C68	chr12:55886161-55887100	0	0	0	1
XLOC_004906	OR6C4	chr12:55945010-55945940	0	0	0	1
XLOC_004907	OR2AP1	chr12:55968198-55969128	0	0	0	1
XLOC_004908	OR10P1	chr12:56030675-56031617	0	0	0	1
XLOC_004937	MIR1228	chr12:57522281-57607125	0	0	0	1
XLOC_004948	ARHGEF25	chr12:58003962-58011028	0	0	0	1
XLOC_004949	SLC26A10	chr12:58013692-58027022	0	0	0	1

XLOC_004960	MIRLET71	chr12:62997465-62997549	0	0	0	1
XLOC_004966	MIR548C	chr12:65004292-65091347	0	0	0	1
XLOC_004968	FLJ41278	chr12:65277553-65371302	0	0	0	1
XLOC_004984	MIR3913-2	chr12:69978501-69978603	0	0	0	1
XLOC_004994	TPH2	chr12:72332625-72426221	0	0	0	1
XLOC_004995	TRHDE	chr12:72647286-73059422	0	0	0	1
XLOC_005003	MIR1252	chr12:79257772-79845788	0	0	0	1
XLOC_005004	MIR5692B	chr12:79850650-79852440	0	0	0	1
XLOC_005005	OTOGL	chr12:80603232-80772870	0	0	0	1
XLOC_005006	PTPRQ	chr12:80838125-81073968	0	0	0	1
XLOC_005007	MYF6	chr12:811101407-81103256	0	0	0	1
XLOC_005008	MYF5	chr12:81110707-81113447	0	0	0	1
XLOC_005009	ACSS3	chr12:81471808-81649582	0	0	0	1
XLOC_005010	MIR4699	chr12:81471808-81649582	0	0	0	1
XLOC_005013	LRR1Q1	chr12:85430098-85638883	0	0	0	1
XLOC_005014	ALX1	chr12:85674035-85695561	0	0	0	1
XLOC_005019	LINC00615	chr12:91311799-91342446	0	0	0	1
XLOC_005020	CLU1	chr12:92813869-92824778	0	0	0	1
XLOC_005021	C12orf74	chr12:93096618-93102325	0	0	0	1
XLOC_005029	MIR5700	chr12:94955564-94955635	0	0	0	1
XLOC_005030	KRT19P2,MIR492	chr12:95228173-95228804	0	0	0	1
XLOC_005032	MIR331	chr12:95702195-95702289	0	0	0	1
XLOC_005033	MIR3685	chr12:95703698-95703760	0	0	0	1
XLOC_005035	PGAM1P5	chr12:96043030-96184536	0	0	0	1
XLOC_005040	RMST	chr12:97858798-97927544	0	0	0	1
XLOC_005041	MIR1251	chr12:97858798-97927544	0	0	0	1
XLOC_005042	MIR135A2	chr12:97957589-97957689	0	0	0	1
XLOC_005047	FAM71C	chr12:99039077-100378432	0	0	0	1
XLOC_005048	MIR1827	chr12:100583661-10058372	0	0	0	1
XLOC_005052	NR1H4	chr12:100867550-10095764	0	0	0	1
XLOC_005054	ANO4	chr12:101188373-10152224	0	0	0	1
XLOC_005056	SPIC	chr12:101871334-10188072	0	0	0	1
XLOC_005057	MYBPC1	chr12:101988708-10207962	0	0	0	1
XLOC_005061	ASCL1	chr12:103351451-10335422	0	0	0	1
XLOC_005069	MIR3922	chr12:104850691-10515572	0	0	0	1
XLOC_005075	RFX4	chr12:106751435-10728302	0	0	0	1
XLOC_005080	ASCL4	chr12:108168161-10817042	0	0	0	1
XLOC_005081	WSCD2	chr12:108523510-10864432	0	0	0	1
XLOC_005084	DAO	chr12:109273856-10929472	0	0	0	1
XLOC_005092	MIR4497	chr12:110220891-11027122	0	0	0	1
XLOC_005100	CCDC63	chr12:111284810-11134532	0	0	0	1
XLOC_005101	LOC100131138	chr12:111374405-11137522	0	0	0	1
XLOC_005111	RPH3A	chr12:113229548-11333662	0	0	0	1
XLOC_005121	TBX5-AS1	chr12:114791734-11485062	0	0	0	1
XLOC_005130	HSPB8	chr12:119616594-11963252	0	0	0	1
XLOC_005131	CCDC60	chr12:119772516-11997882	0	0	0	1
XLOC_005132	TMEM233	chr12:120031263-12007932	0	0	0	1
XLOC_005146	P2RX7	chr12:121570621-12162432	0	0	0	1
XLOC_005169	MIR3908	chr12:124020955-12402102	0	0	0	1
XLOC_005181	LOC100128554	chr12:126927026-12695732	0	0	0	1
XLOC_005183	FLJ37505	chr12:128366161-12838312	0	0	0	1
XLOC_005185	TMEM132C	chr12:128751947-12919242	0	0	0	1
XLOC_005186	MIR3612	chr12:128751947-12919242	0	0	0	1
XLOC_005188	FZD10	chr12:130647003-13065022	0	0	0	1
XLOC_005189	PIWIL1	chr12:130822432-13085682	0	0	0	1
XLOC_005191	GPR133	chr12:131438451-13162602	0	0	0	1
XLOC_005194	MMP17	chr12:132312940-13233632	0	0	0	1
XLOC_005211	FAM138D	chr12:147945-149412	0	0	0	1
XLOC_005212	LOC574538	chr12:176048-287625	0	0	0	1
XLOC_005219	MIR3649	chr12:1769480-1769546	0	0	0	1
XLOC_005221	LOC100271702	chr12:2038367-2045742	0	0	0	1
XLOC_005223	CACNA1C-AS4	chr12:2162415-2807115	0	0	0	1
XLOC_005224	CACNA1C-AS1	chr12:2162415-2807115	0	0	0	1
XLOC_005225	LOC283440	chr12:2870365-2880835	0	0	0	1
XLOC_005231	FGF6	chr12:4543307-4554780	0	0	0	1
XLOC_005261	APOBEC1	chr12:7801995-7818502	0	0	0	1
XLOC_005262	GDF3	chr12:7842380-7848360	0	0	0	1
XLOC_005263	CLEC4C	chr12:7882010-7902069	0	0	0	1
XLOC_005271	CLEC4E	chr12:8685900-8693558	0	0	0	1
XLOC_005272	AICDA	chr12:8754761-8765442	0	0	0	1
XLOC_005277	PZP	chr12:9301435-9360966	0	0	0	1
XLOC_005278	A2MP1	chr12:9381128-9386803	0	0	0	1
XLOC_005279	MIR1244-1	chr12:9392065-9392147	0	0	0	1
XLOC_005281	KLRB1	chr12:9747869-9760497	0	0	0	1
XLOC_005282	CLECL1	chr12:9868455-9885895	0	0	0	1
XLOC_005283	CD69	chr12:9905081-9913497	0	0	0	1
XLOC_005285	CLEC2A	chr12:10065825-10084980	0	0	0	1
XLOC_005286	CLEC1B	chr12:10145661-10151899	0	0	0	1
XLOC_005287	CLEC1A	chr12:10223079-10251605	0	0	0	1

XLOC_005288	CLEC7A	chr12:10269375-10282868	0	0	0	1
XLOC_005289	OLR1	chr12:10310898-10324790	0	0	0	1
XLOC_005291	KLRC3	chr12:10564913-10573194	0	0	0	1
XLOC_005293	KLRC1	chr12:10598637-10607215	0	0	0	1
XLOC_005298	TAS2R7	chr12:10954130-10955226	0	0	0	1
XLOC_005299	TAS2R8	chr12:10958649-10959579	0	0	0	1
XLOC_005303	TAS2R13	chr12:10998447-11328619	0	0	0	1
XLOC_005305	TAS2R50	chr12:10998447-11328619	0	0	0	1
XLOC_005311	TAS2R30	chr12:10998447-11328619	0	0	0	1
XLOC_005312	TAS2R42	chr12:11338598-11339543	0	0	0	1
XLOC_005313	PRB3	chr12:11418856-11422641	0	0	0	1
XLOC_005314	PRB4	chr12:11460014-11463369	0	0	0	1
XLOC_005315	PRB1	chr12:11504756-11508524	0	0	0	1
XLOC_005316	PRB2	chr12:11544473-11548498	0	0	0	1
XLOC_005317	RNU6-19	chr12:11802787-12079107	0	0	0	1
XLOC_005327	GRIN2B	chr12:13714409-14133022	0	0	0	1
XLOC_005333	ART4	chr12:14982244-14996413	0	0	0	1
XLOC_005334	MGP	chr12:15034114-15038853	0	0	0	1
XLOC_005335	ERP27	chr12:15066975-15091463	0	0	0	1
XLOC_005337	REERG	chr12:15260715-15374411	0	0	0	1
XLOC_005339	SLC15A5	chr12:16341418-16430619	0	0	0	1
XLOC_005341	RERGL	chr12:18233802-18243114	0	0	0	1
XLOC_005342	PLCZ1	chr12:18836109-18890993	0	0	0	1
XLOC_005343	SLCO1A2	chr12:21417533-21548371	0	0	0	1
XLOC_005347	KCNJ8	chr12:21917888-21927755	0	0	0	1
XLOC_005351	SOX5	chr12:23685230-24715383	0	0	0	1
XLOC_005352	LINC00477	chr12:24719897-24737102	0	0	0	1
XLOC_005354	C12orf77	chr12:25146364-25150373	0	0	0	1
XLOC_005358	MIR4302	chr12:26026952-26027012	0	0	0	1
XLOC_005359	LOC100506451	chr12:26107587-26232825	0	0	0	1
XLOC_005365	MANSC4	chr12:27915598-27924209	0	0	0	1
XLOC_005368	OVCH1	chr12:29542226-29650619	0	0	0	1
XLOC_005377	RNU6-78	chr12:32146772-32146802	0	0	0	1
XLOC_005380	SYT10	chr12:33528347-33592754	0	0	0	1
XLOC_005381	CPNE8	chr12:39046001-39299420	0	0	0	1
XLOC_005389	ADAMTS20	chr12:43748011-43945724	0	0	0	1
XLOC_005393	DBX2	chr12:45408538-45444882	0	0	0	1
XLOC_005396	RNY5	chr12:45566816-45834187	0	0	0	1
XLOC_005402	AMIGO2	chr12:47469489-47473734	0	0	0	1
XLOC_005403	PCED1B-AS1	chr12:47602202-47630443	0	0	0	1
XLOC_005412	OR10AD1	chr12:48596121-48597075	0	0	0	1
XLOC_005421	MIR4701	chr12:49159974-49182820	0	0	0	1
XLOC_005431	DHH	chr12:49483205-49488602	0	0	0	1
XLOC_005435	C1QL4	chr12:49726199-49730971	0	0	0	1
XLOC_005442	LOC283332	chr12:50302665-50305646	0	0	0	1
XLOC_005446	MIR1293	chr12:50569562-50677353	0	0	0	1
XLOC_005461	KRT85	chr12:52753789-52761309	0	0	0	1
XLOC_005462	KRT84	chr12:52771595-52779417	0	0	0	1
XLOC_005463	KRT82	chr12:52787734-52800176	0	0	0	1
XLOC_005464	KRT75	chr12:52817853-52828110	0	0	0	1
XLOC_005465	KRT6B	chr12:52840434-52845910	0	0	0	1
XLOC_005466	KRT6C	chr12:52862299-52867569	0	0	0	1
XLOC_005467	KRT6A	chr12:52880957-52887181	0	0	0	1
XLOC_005469	KRT71	chr12:52937692-52946931	0	0	0	1
XLOC_005470	KRT74	chr12:52959602-52967609	0	0	0	1
XLOC_005471	KRT72	chr12:52979372-52995322	0	0	0	1
XLOC_005472	KRT73	chr12:53001353-53012343	0	0	0	1
XLOC_005473	KRT2	chr12:53038341-53045959	0	0	0	1
XLOC_005474	KRT1	chr12:53068519-53074191	0	0	0	1
XLOC_005475	KRT77	chr12:53083410-53097247	0	0	0	1
XLOC_005476	KRT76	chr12:53161938-53171129	0	0	0	1
XLOC_005477	KRT3	chr12:53183468-53189892	0	0	0	1
XLOC_005480	KRT78	chr12:53232745-53242778	0	0	0	1
XLOC_005503	GTSF1	chr12:54849735-54867386	0	0	0	1
XLOC_005504	PPP1R1A	chr12:54973023-54982443	0	0	0	1
XLOC_005505	GLYCAM1	chr12:55001970-55004246	0	0	0	1
XLOC_005506	LACRT	chr12:55024622-55028663	0	0	0	1
XLOC_005509	OR6C6	chr12:55688071-55689016	0	0	0	1
XLOC_005510	OR6C70	chr12:55862983-55863922	0	0	0	1
XLOC_005530	SNORD59B	chr12:57031958-57039852	0	0	0	1
XLOC_005531	SNORD59A	chr12:57031958-57039852	0	0	0	1
XLOC_005548	B4GALNT1	chr12:58013692-58027022	0	0	0	1
XLOC_005555	MIR26A2	chr12:58213709-58240747	0	0	0	1
XLOC_005561	AVPR1A	chr12:63536538-63546590	0	0	0	1
XLOC_005564	C12orf56	chr12:64660762-64784345	0	0	0	1
XLOC_005566	WIF1	chr12:65444403-65515346	0	0	0	1
XLOC_005571	IFNG	chr12:68548549-68553521	0	0	0	1
XLOC_005572	IL26	chr12:68595128-68619571	0	0	0	1
XLOC_005573	IL22	chr12:68642024-68647281	0	0	0	1

XLOC_005575	SNORA70G	chr12:69004618-69054385	0	0	0	1
XLOC_005579	MIR1279	chr12:69633316-69668138	0	0	0	1
XLOC_005580	MIR3913-1	chr12:69978501-69978603	0	0	0	1
XLOC_005585	TSPAN8	chr12:71518876-71551779	0	0	0	1
XLOC_005588	TRHDE-AS1	chr12:72647286-73059422	0	0	0	1
XLOC_005589	LOC100507377	chr12:74526955-74686411	0	0	0	1
XLOC_005590	KCNC2	chr12:75433857-75603528	0	0	0	1
XLOC_005601	LIN7A	chr12:81191170-81331694	0	0	0	1
XLOC_005602	MIR617	chr12:81191170-81331694	0	0	0	1
XLOC_005603	MIR618	chr12:81191170-81331694	0	0	0	1
XLOC_005604	PPFIA2	chr12:81652044-82153109	0	0	0	1
XLOC_005606	SLC6A15	chr12:85253266-85306608	0	0	0	1
XLOC_005607	TSPAN19	chr12:85408093-85430055	0	0	0	1
XLOC_005608	RASSF9	chr12:86198330-86230318	0	0	0	1
XLOC_005609	MGAT4C	chr12:86373036-87232681	0	0	0	1
XLOC_005610	MIR548AL	chr12:86373036-87232681	0	0	0	1
XLOC_005611	MKRN9P	chr12:88176662-88178488	0	0	0	1
XLOC_005615	LOC728084	chr12:89404902-89413469	0	0	0	1
XLOC_005619	CCER1	chr12:91345991-91348953	0	0	0	1
XLOC_005620	EPYC	chr12:91357455-91398803	0	0	0	1
XLOC_005621	KERA	chr12:91444270-91452131	0	0	0	1
XLOC_005623	DCN	chr12:91539034-91576806	0	0	0	1
XLOC_005625	CLLU1OS	chr12:92813869-92824778	0	0	0	1
XLOC_005627	LOC643339	chr12:93397533-93771512	0	0	0	1
XLOC_005641	MIR4303	chr12:98389160-98389226	0	0	0	1
XLOC_005642	SLC9A7P1	chr12:98847618-98850923	0	0	0	1
XLOC_005650	SLC5A8	chr12:101549993-10160401	0	0	0	1
XLOC_005657	IGF1	chr12:102789644-10287431	0	0	0	1
XLOC_005659	PAH	chr12:103232103-10331138	0	0	0	1
XLOC_005660	C12orf42	chr12:103695732-10388974	0	0	0	1
XLOC_005671	LOC100287944	chr12:106751435-10728308	0	0	0	1
XLOC_005676	LOC728739	chr12:108296926-10829754	0	0	0	1
XLOC_005677	CMKLR1	chr12:108681820-10873308	0	0	0	1
XLOC_005710	RASAL1	chr12:113536623-11357404	0	0	0	1
XLOC_005715	LHX5	chr12:113900693-11390981	0	0	0	1
XLOC_005717	TBX5	chr12:114791734-11485061	0	0	0	1
XLOC_005720	MIR620	chr12:116396380-11671498	0	0	0	1
XLOC_005721	MIR4472-2	chr12:116866056-11686611	0	0	0	1
XLOC_005727	KSR2	chr12:117890816-11840601	0	0	0	1
XLOC_005731	LOC144742	chr12:119721629-11974118	0	0	0	1
XLOC_005735	MIR4498	chr12:120565013-12063251	0	0	0	1
XLOC_005752	MORN3	chr12:122089292-12210758	0	0	0	1
XLOC_005756	IL31	chr12:122652265-12268801	0	0	0	1
XLOC_005763	HCAR3	chr12:123199302-12320141	0	0	0	1
XLOC_005764	HCAR1	chr12:123212152-12321511	0	0	0	1
XLOC_005768	MIR4304	chr12:123468026-12359491	0	0	0	1
XLOC_005780	LOC400084	chr12:126443233-12646791	0	0	0	1
XLOC_005782	LOC440117	chr12:127354039-12735921	0	0	0	1
XLOC_005784	TMEM132D	chr12:129556270-13038821	0	0	0	1
XLOC_005785	LOC100190940	chr12:130518356-13052688	0	0	0	1
XLOC_005786	FLJ31485	chr12:130636137-13064621	0	0	0	1
XLOC_005791	LRCOL1	chr12:133179735-13318701	0	0	0	1
XLOC_005797	ANHX	chr12:133794897-13381241	0	0	0	1
XLOC_005798	LINC00442	chr13:19582398-19586774	0	0	0	1
XLOC_005799	RNU6-52	chr13:19717121-19717217	0	0	0	1
XLOC_005800	LINC00421	chr13:19919188-19920889	0	0	0	1
XLOC_005809	SGCG	chr13:23755059-23899304	0	0	0	1
XLOC_005810	LINC00327	chr13:24043650-24061603	0	0	0	1
XLOC_005811	TNFRSF19	chr13:24144508-24250244	0	0	0	1
XLOC_005814	MIR2276	chr13:24734860-24881212	0	0	0	1
XLOC_005818	RNF17	chr13:25338300-25454058	0	0	0	1
XLOC_005821	ATP8A2	chr13:25946208-26595420	0	0	0	1
XLOC_005825	SNORD102	chr13:27825691-27830702	0	0	0	1
XLOC_005830	GSX1	chr13:28366779-28368089	0	0	0	1
XLOC_005836	LINC00544	chr13:30510667-30524625	0	0	0	1
XLOC_005839	LINC00398	chr13:31377342-31384782	0	0	0	1
XLOC_005840	MEDAG	chr13:31456971-31506745	0	0	0	1
XLOC_005841	TEX26	chr13:31506833-31549153	0	0	0	1
XLOC_005843	RXFP2	chr13:32313678-32377009	0	0	0	1
XLOC_005844	EEF1DP3	chr13:32420919-32533721	0	0	0	1
XLOC_005848	KL	chr13:33590570-33640282	0	0	0	1
XLOC_005852	SPG20OS	chr13:36875774-36944317	0	0	0	1
XLOC_005853	CCNA1	chr13:37005966-37017019	0	0	0	1
XLOC_005854	SERTM1	chr13:37248048-37271975	0	0	0	1
XLOC_005857	LINC00547	chr13:38109076-38125673	0	0	0	1
XLOC_005859	LINC00366	chr13:39141860-39153653	0	0	0	1
XLOC_005863	LINC00332	chr13:40755945-40763167	0	0	0	1
XLOC_005868	RGCC	chr13:42031541-42045013	0	0	0	1
XLOC_005872	TNFSF11	chr13:43136871-43182149	0	0	0	1

XLOC_005873	FAM216B	chr13:43355685-43365685	0	0	0	1
XLOC_005874	DNAJC15	chr13:43597361-43683306	0	0	0	1
XLOC_005876	LINC00284	chr13:44596470-44604599	0	0	0	1
XLOC_005877	SERP2	chr13:44947977-44971850	0	0	0	1
XLOC_005883	SPERT	chr13:46276445-46288693	0	0	0	1
XLOC_005890	CYSLTR2	chr13:49280950-49283498	0	0	0	1
XLOC_005892	MLNR	chr13:49794473-49796513	0	0	0	1
XLOC_005896	ARL11	chr13:50202434-50208008	0	0	0	1
XLOC_005903	FAM124A	chr13:51796469-51858377	0	0	0	1
XLOC_005905	MIR4703	chr13:52126724-52126803	0	0	0	1
XLOC_005907	CCDC70	chr13:52436116-52440372	0	0	0	1
XLOC_005913	MIR759	chr13:53384184-53384275	0	0	0	1
XLOC_005914	OLFM4	chr13:53602875-53626196	0	0	0	1
XLOC_005915	LINC00558	chr13:54389553-54450254	0	0	0	1
XLOC_005916	MIR5007	chr13:55748588-55748683	0	0	0	1
XLOC_005917	PRR20B	chr13:57715051-57718073	0	0	0	1
XLOC_005918	PRR20D	chr13:57721621-57724643	0	0	0	1
XLOC_005919	PRR20E	chr13:57728194-57731216	0	0	0	1
XLOC_005920	PRR20A	chr13:57734765-57737787	0	0	0	1
XLOC_005921	PRR20A	chr13:57741330-57744352	0	0	0	1
XLOC_005922	PCDH17	chr13:58205788-58303065	0	0	0	1
XLOC_005923	DIAPH3-AS1	chr13:60239720-60738119	0	0	0	1
XLOC_005924	DIAPH3-AS2	chr13:60239720-60738119	0	0	0	1
XLOC_005927	PCDH9-AS2	chr13:66876965-67804468	0	0	0	1
XLOC_005928	PCDH9-AS3	chr13:66876965-67804468	0	0	0	1
XLOC_005929	ATXN8OS	chr13:70274724-70713885	0	0	0	1
XLOC_005930	LINC00348	chr13:71589272-71742549	0	0	0	1
XLOC_005934	LINC00381	chr13:74993309-75009296	0	0	0	1
XLOC_005935	LINC00347	chr13:75126979-75131257	0	0	0	1
XLOC_005939	BTF3P11	chr13:77502584-77503224	0	0	0	1
XLOC_005940	IRG1	chr13:77526623-77532776	0	0	0	1
XLOC_005942	MYCBP2-AS1	chr13:77618791-77901177	0	0	0	1
XLOC_005943	SCEL	chr13:78109808-78219398	0	0	0	1
XLOC_005944	SLAIN1	chr13:78271988-78338377	0	0	0	1
XLOC_005945	LINC00446	chr13:78587017-78627730	0	0	0	1
XLOC_005946	POU4F1-AS1	chr13:78628989-79233314	0	0	0	1
XLOC_005949	LINC00333	chr13:84714736-85180903	0	0	0	1
XLOC_005950	LINC00351	chr13:85937737-86118797	0	0	0	1
XLOC_005951	SLITRK5	chr13:88324869-88331870	0	0	0	1
XLOC_005952	LINC00433	chr13:89193083-89197764	0	0	0	1
XLOC_005953	MIR622	chr13:90883435-90883531	0	0	0	1
XLOC_005958	CLDN10	chr13:96085852-96296960	0	0	0	1
XLOC_005960	HS6ST3	chr13:96743092-97491816	0	0	0	1
XLOC_005965	MIR3170	chr13:98795433-99102023	0	0	0	1
XLOC_005967	FKSG29	chr13:99848627-100058554	0	0	0	1
XLOC_005968	MIR623	chr13:99848627-100058554	0	0	0	1
XLOC_005971	MIR4306	chr13:100258918-10054938	0	0	0	1
XLOC_005974	NALCN-AS1	chr13:101360578-10206887	0	0	0	1
XLOC_005975	ITGBL1	chr13:102104943-10305412	0	0	0	1
XLOC_005976	FGF14-AS2	chr13:102104943-10305412	0	0	0	1
XLOC_005980	DAOA	chr13:106111405-10615801	0	0	0	1
XLOC_005981	LINC00343	chr13:106359217-10641414	0	0	0	1
XLOC_005983	LINC00551	chr13:107270157-10728401	0	0	0	1
XLOC_005984	LINC00443	chr13:107306227-10732452	0	0	0	1
XLOC_005993	SOX1	chr13:112721912-11272602	0	0	0	1
XLOC_005994	SPACA7	chr13:113030650-11308901	0	0	0	1
XLOC_005995	C13orf35	chr13:113301357-11333887	0	0	0	1
XLOC_005998	F7	chr13:113760101-11377498	0	0	0	1
XLOC_006005	GRK1	chr13:114321596-11443861	0	0	0	1
XLOC_006006	TMEM255B	chr13:114462215-11451488	0	0	0	1
XLOC_006013	TUBA3C	chr13:19747909-19755992	0	0	0	1
XLOC_006014	ANKRD26P3	chr13:19836939-19919113	0	0	0	1
XLOC_006019	GJB2	chr13:20761603-20767114	0	0	0	1
XLOC_006020	GJB6	chr13:20796100-20806534	0	0	0	1
XLOC_006022	MIR4499	chr13:20977805-21100012	0	0	0	1
XLOC_006029	LINC00424	chr13:22446934-22452299	0	0	0	1
XLOC_006030	BASP1P1	chr13:23471168-23472320	0	0	0	1
XLOC_006035	SPATA13-AS1	chr13:24734860-24881212	0	0	0	1
XLOC_006039	AMER2	chr13:25742671-25745857	0	0	0	1
XLOC_006043	GPR12	chr13:27329338-27334922	0	0	0	1
XLOC_006048	PRHOXNB	chr13:28552242-28562774	0	0	0	1
XLOC_006049	FLT3	chr13:28577410-28674729	0	0	0	1
XLOC_006056	LINC00297	chr13:30446749-30462542	0	0	0	1
XLOC_006060	TEX26-AS1	chr13:31456971-31506745	0	0	0	1
XLOC_006067	LINC00423	chr13:33383327-33485790	0	0	0	1
XLOC_006069	LINC00457	chr13:35009590-35214822	0	0	0	1
XLOC_006070	MAB21L1	chr13:35516423-36705514	0	0	0	1
XLOC_006071	DCLK1	chr13:35516423-36705514	0	0	0	1
XLOC_006072	CCDC169,CCDC169-SOHLI	chr13:36742344-36871992	0	0	0	1

XLOC_006073	SPG20	chr13:36875774-36944317	0	0	0	1
XLOC_006077	CSNK1A1L	chr13:37677396-37679801	0	0	0	1
XLOC_006078	POSTN	chr13:38136718-38172981	0	0	0	1
XLOC_006079	TRPC4	chr13:38210772-38443939	0	0	0	1
XLOC_006081	STOML3	chr13:39540061-39564996	0	0	0	1
XLOC_006083	LHFP	chr13:39917028-40177356	0	0	0	1
XLOC_006084	MIR4305	chr13:40229763-40365802	0	0	0	1
XLOC_006085	LINC00548	chr13:40768645-40794639	0	0	0	1
XLOC_006088	MIR320D1	chr13:41301963-41302011	0	0	0	1
XLOC_006096	EPSTI1	chr13:43460523-43566407	0	0	0	1
XLOC_006099	SMIM2-IT1	chr13:44720605-44732358	0	0	0	1
XLOC_006107	FAM194B	chr13:46115431-46189874	0	0	0	1
XLOC_006110	CPB2	chr13:46626982-46679211	0	0	0	1
XLOC_006113	KIAA0226L	chr13:46916136-46961635	0	0	0	1
XLOC_006115	HTR2A	chr13:47405676-47471211	0	0	0	1
XLOC_006121	LINC00462	chr13:49151109-49155037	0	0	0	1
XLOC_006128	MIR3613	chr13:50556687-50699677	0	0	0	1
XLOC_006129	MIR16-1	chr13:50556687-50699677	0	0	0	1
XLOC_006130	MIR15A	chr13:50556687-50699677	0	0	0	1
XLOC_006133	GUCY1B2	chr13:51568646-51640293	0	0	0	1
XLOC_006134	MIR5693	chr13:51915167-52027275	0	0	0	1
XLOC_006146	MIR1297	chr13:54886106-54886183	0	0	0	1
XLOC_006148	MIR3169	chr13:61773931-61774014	0	0	0	1
XLOC_006149	PCDH20	chr13:61983818-61989655	0	0	0	1
XLOC_006150	PCDH9	chr13:66876965-67804468	0	0	0	1
XLOC_006151	LINC00550	chr13:69435416-69459457	0	0	0	1
XLOC_006152	KLHL1	chr13:70274724-70713885	0	0	0	1
XLOC_006157	CTAGE11P	chr13:75811888-75814517	0	0	0	1
XLOC_006163	MIR3665	chr13:78271988-78338377	0	0	0	1
XLOC_006164	EDNRB	chr13:78469615-78549674	0	0	0	1
XLOC_006165	POU4F1	chr13:78628989-79233314	0	0	0	1
XLOC_006167	LINC00331	chr13:79361453-79414160	0	0	0	1
XLOC_006169	NDFIP2-AS1	chr13:80051498-80130212	0	0	0	1
XLOC_006171	SLITRK1	chr13:844451342-84456528	0	0	0	1
XLOC_006172	SLITRK6	chr13:86366921-86373483	0	0	0	1
XLOC_006173	MIR4500HG	chr13:88096241-88323218	0	0	0	1
XLOC_006174	MIR4500	chr13:88096241-88323218	0	0	0	1
XLOC_006175	LINC00353	chr13:90201047-90216667	0	0	0	1
XLOC_006176	LINC00559	chr13:90712500-90771971	0	0	0	1
XLOC_006177	LINC00410	chr13:91543207-91578851	0	0	0	1
XLOC_006178	LINC00379	chr13:91779866-91863952	0	0	0	1
XLOC_006179	GPC5-AS1	chr13:92050934-93519487	0	0	0	1
XLOC_006180	GPC6-AS2	chr13:93879077-95060273	0	0	0	1
XLOC_006183	SOX21	chr13:95361878-95364389	0	0	0	1
XLOC_006185	CLDN10-AS1	chr13:96085852-96296960	0	0	0	1
XLOC_006188	LINC00359	chr13:97593534-97636426	0	0	0	1
XLOC_006189	OXGR1	chr13:97637972-97646604	0	0	0	1
XLOC_006190	RNF113B	chr13:98795433-99102023	0	0	0	1
XLOC_006195	MIR548AN	chr13:99848627-10005855	0	0	0	1
XLOC_006197	GPR183	chr13:99848627-10005855	0	0	0	1
XLOC_006199	PCCA-AS1	chr13:100741268-1012410	0	0	0	1
XLOC_006202	NALCN	chr13:101360578-1020688	0	0	0	1
XLOC_006203	FGF14	chr13:102104943-10305412	0	0	0	1
XLOC_006204	MIR2681	chr13:102104943-10305412	0	0	0	1
XLOC_006205	MIR4705	chr13:102104943-10305412	0	0	0	1
XLOC_006206	FGF14-IT1	chr13:102104943-10305412	0	0	0	1
XLOC_006207	METTL21C	chr13:103338096-10334687	0	0	0	1
XLOC_006208	CCDC168	chr13:103381716-10341142	0	0	0	1
XLOC_006211	SLC10A2	chr13:103696347-10371919	0	0	0	1
XLOC_006212	MIR548AS	chr13:103934828-1039348	0	0	0	1
XLOC_006213	DAOA-AS1	chr13:106111405-1061580	0	0	0	1
XLOC_006216	FAM155A	chr13:107820878-10851946	0	0	0	1
XLOC_006218	MYO16-AS1	chr13:109248499-1098603	0	0	0	1
XLOC_006221	COL4A2-AS1	chr13:110959630-11116537	0	0	0	1
XLOC_006232	ATP4B	chr13:114303121-1143125	0	0	0	1
XLOC_006233	LINC00552	chr13:114451483-11445406	0	0	0	1
XLOC_006237	OR11H12	chr14:19377593-19378574	0	0	0	1
XLOC_006238	POTEG	chr14:19553364-19584942	0	0	0	1
XLOC_006239	LOC101101776	chr14:19894368-19904572	0	0	0	1
XLOC_006240	OR4Q3	chr14:20215586-20216528	0	0	0	1
XLOC_006241	OR4M1	chr14:20248481-20249423	0	0	0	1
XLOC_006242	OR4N2	chr14:20295607-20296531	0	0	0	1
XLOC_006243	OR4K2	chr14:20344426-20345371	0	0	0	1
XLOC_006244	OR4K5	chr14:20388765-20389737	0	0	0	1
XLOC_006245	OR4K1	chr14:20403766-20404842	0	0	0	1
XLOC_006246	OR4K15	chr14:20443677-20444724	0	0	0	1
XLOC_006247	OR4L1	chr14:20528203-20529142	0	0	0	1
XLOC_006248	OR4K17	chr14:20585565-20586597	0	0	0	1
XLOC_006249	OR4N5	chr14:20611894-20612821	0	0	0	1

XLOC_006250	OR11G2	chr14:20665494-20666532	0	0	0	1
XLOC_006251	OR11H6	chr14:20691868-20692861	0	0	0	1
XLOC_006252	OR11H4	chr14:20710950-20711925	0	0	0	1
XLOC_006256	RNASE10	chr14:20978630-20979281	0	0	0	1
XLOC_006258	EDDM3A	chr14:21214098-21216539	0	0	0	1
XLOC_006259	EDDM3B	chr14:21236585-21239107	0	0	0	1
XLOC_006260	RNASE6	chr14:21249209-21250626	0	0	0	1
XLOC_006263	RNASE2	chr14:21423629-21424594	0	0	0	1
XLOC_006266	TPPP2	chr14:21498344-21500332	0	0	0	1
XLOC_006268	RNASE8	chr14:21526051-21526516	0	0	0	1
XLOC_006273	OR4E2	chr14:22133296-22134238	0	0	0	1
XLOC_006280	PSMB11	chr14:23511375-23513269	0	0	0	1
XLOC_006283	IL25	chr14:23842017-23845612	0	0	0	1
XLOC_006284	CMTM5	chr14:23846016-23848981	0	0	0	1
XLOC_006292	CPNE6	chr14:24540755-24547296	0	0	0	1
XLOC_006307	MIR4307	chr14:27377847-27377931	0	0	0	1
XLOC_006308	LINC00645	chr14:28081793-28108842	0	0	0	1
XLOC_006309	FOXG1	chr14:29236277-29239483	0	0	0	1
XLOC_006319	IGBP1P1	chr14:35409127-35409702	0	0	0	1
XLOC_006324	INSM2	chr14:36003247-36006260	0	0	0	1
XLOC_006326	LINC00609	chr14:36539632-36645857	0	0	0	1
XLOC_006330	SSTR1	chr14:38677203-38682268	0	0	0	1
XLOC_006333	MIA2	chr14:39703124-39722575	0	0	0	1
XLOC_006335	LRFN5	chr14:42076763-42373752	0	0	0	1
XLOC_006339	SNORD127	chr14:45553301-45603732	0	0	0	1
XLOC_006354	PTGDR	chr14:52734430-52743442	0	0	0	1
XLOC_006370	OTX2-AS1	chr14:57279900-57397550	0	0	0	1
XLOC_006381	LRRC9	chr14:60386430-60530277	0	0	0	1
XLOC_006384	SIX6	chr14:60975937-60978525	0	0	0	1
XLOC_006388	FLJ22447	chr14:62037257-62121431	0	0	0	1
XLOC_006391	SYT16	chr14:62462540-62568427	0	0	0	1
XLOC_006392	LINC00643	chr14:62584074-62600903	0	0	0	1
XLOC_006393	RHOJ	chr14:63671101-63760230	0	0	0	1
XLOC_006402	MIR4706	chr14:65381078-65569413	0	0	0	1
XLOC_006407	FAM71D	chr14:67656109-67695267	0	0	0	1
XLOC_006418	PLEKHD1	chr14:69951470-69995215	0	0	0	1
XLOC_006425	SNORD56B	chr14:71865053-71865124	0	0	0	1
XLOC_006426	LOC145474	chr14:71954577-71956420	0	0	0	1
XLOC_006428	RGS6	chr14:72398816-73033238	0	0	0	1
XLOC_006439	MIR4505	chr14:74181824-74253896	0	0	0	1
XLOC_006446	VRTN	chr14:74815165-74826711	0	0	0	1
XLOC_006456	BATF	chr14:75988783-76013334	0	0	0	1
XLOC_006463	C14orf166B	chr14:77292724-77336645	0	0	0	1
XLOC_006466	MIR1260A	chr14:77731833-77737655	0	0	0	1
XLOC_006474	DIO2-AS1	chr14:80663867-80921810	0	0	0	1
XLOC_006475	TSHR	chr14:81421868-81612646	0	0	0	1
XLOC_006476	FLRT2	chr14:85996487-86094270	0	0	0	1
XLOC_006477	LOC283585	chr14:87372121-87389099	0	0	0	1
XLOC_006484	FOXN3-AS2	chr14:89622515-90085494	0	0	0	1
XLOC_006486	KCNK13	chr14:90528107-90652195	0	0	0	1
XLOC_006489	LINC00642	chr14:90921573-90925249	0	0	0	1
XLOC_006502	FAM181A	chr14:94371075-94395954	0	0	0	1
XLOC_006508	SERPINA4	chr14:95027782-95036243	0	0	0	1
XLOC_006509	SERPINA5	chr14:95047705-95059457	0	0	0	1
XLOC_006510	SERPINA3	chr14:95078713-95090390	0	0	0	1
XLOC_006511	SERPINA13P	chr14:95107061-95113331	0	0	0	1
XLOC_006514	TCL6	chr14:96117514-96139789	0	0	0	1
XLOC_006515	TCL1B	chr14:96152753-96158980	0	0	0	1
XLOC_006516	LINC00617	chr14:96343108-96391908	0	0	0	1
XLOC_006517	C14orf132	chr14:96505660-96560226	0	0	0	1
XLOC_006518	BDKRB2	chr14:96671134-96710666	0	0	0	1
XLOC_006519	BDKRB1	chr14:96722546-96731100	0	0	0	1
XLOC_006524	C14orf177	chr14:99177949-99184103	0	0	0	1
XLOC_006527	MIR5698	chr14:100111479-10014301	0	0	0	1
XLOC_006529	EML1	chr14:100259744-10040838	0	0	0	1
XLOC_006530	EVL	chr14:100531750-10061057	0	0	0	1
XLOC_006532	MIR345	chr14:100774195-10077425	0	0	0	1
XLOC_006533	SLC25A47	chr14:100789678-10079671	0	0	0	1
XLOC_006535	LINC00523	chr14:101123604-10113908	0	0	0	1
XLOC_006536	DLK1	chr14:101193201-10120146	0	0	0	1
XLOC_006537	MIR2392	chr14:101280827-10128091	0	0	0	1
XLOC_006538	MEG3,MIR770	chr14:101292444-10132736	0	0	0	1
XLOC_006539	MIR493	chr14:101335396-10133548	0	0	0	1
XLOC_006540	MIR337	chr14:101340829-10134092	0	0	0	1
XLOC_006541	MIR665	chr14:101341369-10134144	0	0	0	1
XLOC_006542	MIR431	chr14:101346991-10135118	0	0	0	1
XLOC_006543	MIR433	chr14:101346991-10135118	0	0	0	1
XLOC_006544	MIR127	chr14:101346991-10135118	0	0	0	1
XLOC_006545	MIR432	chr14:101346991-10135118	0	0	0	1

XLOC_006546	MIR136	chr14:101346991-10135118	0	0	0	1
XLOC_006547	MEG8	chr14:101361106-10137330	0	0	0	1
XLOC_006548	SNORD113-1	chr14:101391157-10139122	0	0	0	1
XLOC_006549	SNORD113-2	chr14:101393678-10139374	0	0	0	1
XLOC_006550	SNORD113-4	chr14:101402827-10140290	0	0	0	1
XLOC_006551	SNORD113-5	chr14:101404523-10140460	0	0	0	1
XLOC_006552	SNORD113-6	chr14:101405892-10140596	0	0	0	1
XLOC_006553	SNORD113-7	chr14:101407462-10140753	0	0	0	1
XLOC_006554	SNORD113-9	chr14:101411985-10141205	0	0	0	1
XLOC_006555	SNORD114-1	chr14:101416169-10141624	0	0	0	1
XLOC_006556	SNORD114-2	chr14:101418192-10141826	0	0	0	1
XLOC_006557	SNORD114-3	chr14:101419685-10141975	0	0	0	1
XLOC_006558	SNORD114-4	chr14:101420680-10142078	0	0	0	1
XLOC_006559	SNORD114-5	chr14:101421706-10142177	0	0	0	1
XLOC_006560	SNORD114-6	chr14:101423502-10142357	0	0	0	1
XLOC_006561	SNORD114-7	chr14:101429390-10142946	0	0	0	1
XLOC_006562	SNORD114-8	chr14:101431117-10143118	0	0	0	1
XLOC_006563	SNORD114-9	chr14:101432365-10143243	0	0	0	1
XLOC_006564	SNORD114-10	chr14:101433388-10143348	0	0	0	1
XLOC_006565	SNORD114-11	chr14:101434447-10143452	0	0	0	1
XLOC_006566	SNORD114-12	chr14:101435284-10143538	0	0	0	1
XLOC_006567	SNORD114-13	chr14:101436215-10143628	0	0	0	1
XLOC_006568	SNORD114-14	chr14:101438439-10143857	0	0	0	1
XLOC_006569	SNORD114-15	chr14:101439006-10143907	0	0	0	1
XLOC_006570	SNORD114-16	chr14:101439931-10144000	0	0	0	1
XLOC_006571	SNORD114-17	chr14:101441142-10144127	0	0	0	1
XLOC_006572	SNORD114-18	chr14:101442161-10144223	0	0	0	1
XLOC_006573	SNORD114-19	chr14:101442813-10144288	0	0	0	1
XLOC_006574	SNORD114-20	chr14:101447340-10144747	0	0	0	1
XLOC_006575	SNORD114-21	chr14:101448311-10144838	0	0	0	1
XLOC_006576	SNORD114-22	chr14:101449262-10144933	0	0	0	1
XLOC_006577	SNORD114-23	chr14:101450212-10145028	0	0	0	1
XLOC_006578	SNORD114-24	chr14:101451113-10145118	0	0	0	1
XLOC_006579	SNORD114-25	chr14:101452393-10145246	0	0	0	1
XLOC_006580	SNORD114-26	chr14:101453382-10145348	0	0	0	1
XLOC_006581	SNORD114-27	chr14:101454497-10145456	0	0	0	1
XLOC_006582	SNORD114-28	chr14:101455466-10145553	0	0	0	1
XLOC_006583	SNORD114-29	chr14:101456427-10145648	0	0	0	1
XLOC_006584	SNORD114-30	chr14:101458255-10145832	0	0	0	1
XLOC_006585	SNORD114-31	chr14:101459572-10145964	0	0	0	1
XLOC_006586	MIR379	chr14:101488402-10148846	0	0	0	1
XLOC_006587	MIR411	chr14:101489661-10148978	0	0	0	1
XLOC_006588	MIR299	chr14:101490130-10149018	0	0	0	1
XLOC_006589	MIR380	chr14:101491353-10149147	0	0	0	1
XLOC_006590	MIR1197	chr14:101491900-10149198	0	0	0	1
XLOC_006591	MIR323A	chr14:101492068-10149218	0	0	0	1
XLOC_006592	MIR758	chr14:101492356-10149244	0	0	0	1
XLOC_006593	MIR329-1	chr14:101493121-10149320	0	0	0	1
XLOC_006594	MIR329-2	chr14:101493436-10149352	0	0	0	1
XLOC_006595	MIR494	chr14:101495970-10149608	0	0	0	1
XLOC_006596	MIR1193	chr14:101496388-10149646	0	0	0	1
XLOC_006597	MIR543	chr14:101498323-10149840	0	0	0	1
XLOC_006598	MIR495	chr14:101500091-10150017	0	0	0	1
XLOC_006599	MIR376C	chr14:101506026-10150609	0	0	0	1
XLOC_006600	MIR376A2	chr14:101506405-10150648	0	0	0	1
XLOC_006601	MIR654	chr14:101506555-10150663	0	0	0	1
XLOC_006602	MIR376B	chr14:101506772-10150687	0	0	0	1
XLOC_006603	MIR376A1	chr14:101507118-10150718	0	0	0	1
XLOC_006604	MIR300	chr14:101507699-10150778	0	0	0	1
XLOC_006605	MIR1185-1	chr14:101509313-10150938	0	0	0	1
XLOC_006606	MIR1185-2	chr14:101510534-10151067	0	0	0	1
XLOC_006607	MIR381	chr14:101512256-10151233	0	0	0	1
XLOC_006608	MIR487B	chr14:101512791-10151287	0	0	0	1
XLOC_006609	MIR539	chr14:101513657-10151373	0	0	0	1
XLOC_006610	MIR889	chr14:101514237-10151443	0	0	0	1
XLOC_006611	MIR655	chr14:101515886-10151596	0	0	0	1
XLOC_006612	MIR487A	chr14:101518782-10151888	0	0	0	1
XLOC_006613	MIR382	chr14:101520642-10152077	0	0	0	1
XLOC_006614	MIR134	chr14:101521023-10152108	0	0	0	1
XLOC_006615	MIR668	chr14:101521594-10152166	0	0	0	1
XLOC_006616	MIR485	chr14:101521755-10152182	0	0	0	1
XLOC_006617	MIR323B	chr14:101522555-10152263	0	0	0	1
XLOC_006618	MIR154	chr14:101526091-10152617	0	0	0	1
XLOC_006619	MIR496	chr14:101526909-10152707	0	0	0	1
XLOC_006620	MIR377	chr14:101528386-10152848	0	0	0	1
XLOC_006621	MIR541	chr14:101530831-10153097	0	0	0	1
XLOC_006622	MIR409	chr14:101531636-10153177	0	0	0	1
XLOC_006623	MIR412	chr14:101531783-10153187	0	0	0	1
XLOC_006624	MIR369	chr14:101531934-10153200	0	0	0	1

XLOC_006625	MIR410	chr14:101532248-10153232	0	0	0	1
XLOC_006626	MIR656	chr14:101533060-10153311	0	0	0	1
XLOC_006627	MEG9	chr14:101536247-10153927	0	0	0	1
XLOC_006628	DIO3	chr14:102027687-10202978	0	0	0	1
XLOC_006635	MIR4309	chr14:103005980-10300606	0	0	0	1
XLOC_006650	ASPG	chr14:104552022-10457904	0	0	0	1
XLOC_006651	MIR203	chr14:104583741-10458388	0	0	0	1
XLOC_006653	C14orf180	chr14:105046055-10505618	0	0	0	1
XLOC_006660	PLD4	chr14:105391186-10539957	0	0	0	1
XLOC_006670	KIAA0125	chr14:106383837-10639850	0	0	0	1
XLOC_006671	LINC00226	chr14:106744268-10674496	0	0	0	1
XLOC_006672	LINC00221	chr14:106938454-10695152	0	0	0	1
XLOC_006673	LOC642426	chr14:19407014-19410111	0	0	0	1
XLOC_006674	LOC101101776	chr14:19670791-19681016	0	0	0	1
XLOC_006675	POTEM	chr14:19983953-20020272	0	0	0	1
XLOC_006677	OR4K14	chr14:20482419-20483352	0	0	0	1
XLOC_006678	OR4K13	chr14:20502002-20502917	0	0	0	1
XLOC_006681	SNORD126	chr14:20779526-20801471	0	0	0	1
XLOC_006684	KLHL33	chr14:20896969-20903801	0	0	0	1
XLOC_006687	RNASE9	chr14:21024251-21029090	0	0	0	1
XLOC_006689	OR6S1	chr14:21108854-21109850	0	0	0	1
XLOC_006690	RNASE1	chr14:21269514-21271036	0	0	0	1
XLOC_006692	RNASE13	chr14:21500978-21502944	0	0	0	1
XLOC_006694	OR5AU1	chr14:21623095-21624184	0	0	0	1
XLOC_006696	HNRNPC	chr14:21677295-21737638	156.386	152.264	0	1
XLOC_006699	SNORD9	chr14:21853352-21905457	0	0	0	1
XLOC_006703	SALL2	chr14:21989231-22005337	0	0	0	1
XLOC_006704	OR10G3	chr14:22037933-22038875	0	0	0	1
XLOC_006705	OR10G2	chr14:22102065-22102998	0	0	0	1
XLOC_006716	CEBPE	chr14:23586514-23588820	0	0	0	1
XLOC_006721	EFS	chr14:23825610-23834842	0	0	0	1
XLOC_006722	MYH6	chr14:23851198-23877486	0	0	0	1
XLOC_006723	MIR208A	chr14:23851198-23877486	0	0	0	1
XLOC_006724	MYH7	chr14:23881946-23904870	0	0	0	1
XLOC_006725	MIR208B	chr14:23881946-23904870	0	0	0	1
XLOC_006745	CMA1	chr14:24974711-24977471	0	0	0	1
XLOC_006746	CTSG	chr14:25042723-25045466	0	0	0	1
XLOC_006747	GZMH	chr14:25075685-25078926	0	0	0	1
XLOC_006748	GZMB	chr14:25100160-25103432	0	0	0	1
XLOC_006751	MIR548AI	chr14:29896116-30396899	0	0	0	1
XLOC_006752	PRKD1	chr14:29896116-30396899	0	0	0	1
XLOC_006755	MIR624	chr14:31363004-31565656	0	0	0	1
XLOC_006759	GPR33	chr14:31952149-31957151	0	0	0	1
XLOC_006761	EGLN3	chr14:34393420-34420284	0	0	0	1
XLOC_006772	SFTA3	chr14:36942493-36982990	0	0	0	1
XLOC_006773	NKX2-1	chr14:36985603-36989430	0	0	0	1
XLOC_006774	NKX2-8	chr14:37049215-37051786	0	0	0	1
XLOC_006776	MIR4503	chr14:37147125-37642998	0	0	0	1
XLOC_006778	CLEC14A	chr14:38723204-38725575	0	0	0	1
XLOC_006779	LINC00639	chr14:39218542-39386086	0	0	0	1
XLOC_006784	FSCB	chr14:44973353-44976499	0	0	0	1
XLOC_006788	RPL10L	chr14:47120219-47121028	0	0	0	1
XLOC_006790	MIR548Y	chr14:48230197-48230307	0	0	0	1
XLOC_006791	LINC00648	chr14:48234155-48264217	0	0	0	1
XLOC_006816	MIR5580	chr14:54415144-54415202	0	0	0	1
XLOC_006821	MIR4308	chr14:55308723-55369542	0	0	0	1
XLOC_006825	TBPL2	chr14:55880929-55907263	0	0	0	1
XLOC_006828	OTX2	chr14:57267424-57277194	0	0	0	1
XLOC_006840	C14orf39	chr14:60902673-60952764	0	0	0	1
XLOC_006841	SIX1	chr14:61111416-61116155	0	0	0	1
XLOC_006844	TMEM30B	chr14:61744088-61748530	0	0	0	1
XLOC_006846	KCNH5	chr14:63173944-63568584	0	0	0	1
XLOC_006847	GPHB5	chr14:63779548-63785593	0	0	0	1
XLOC_006858	MIR4708	chr14:65801835-65801901	0	0	0	1
XLOC_006871	CCDC177	chr14:70036530-70041600	0	0	0	1
XLOC_006874	SLC8A3	chr14:70510933-70655787	0	0	0	1
XLOC_006904	RNU6-6	chr14:76737449-76737476	0	0	0	1
XLOC_006907	ZDHHC22	chr14:77597612-77608134	0	0	0	1
XLOC_006923	GALC	chr14:88399357-88460009	0	0	0	1
XLOC_006924	KCNK10	chr14:88646451-88793256	0	0	0	1
XLOC_006930	TTC7B	chr14:91006931-91282761	0	0	0	1
XLOC_006935	CATSPERB	chr14:92047117-92198413	0	0	0	1
XLOC_006946	PRIMA1	chr14:94184643-94254766	0	0	0	1
XLOC_006947	FAM181A-AS1	chr14:94371075-94395954	0	0	0	1
XLOC_006948	ASB2	chr14:94400498-94443076	0	0	0	1
XLOC_006952	SERPINA6	chr14:94770584-94789688	0	0	0	1
XLOC_006954	SERPINA11	chr14:94908800-94919122	0	0	0	1
XLOC_006955	SERPINA9	chr14:94929057-94942670	0	0	0	1
XLOC_006956	SERPINA12	chr14:94953619-94984181	0	0	0	1

XLOC_006957	GSC	chr14:95234559-95236499	0	0	0	1
XLOC_006959	MIR3173	chr14:95552564-95623759	0	0	0	1
XLOC_006964	TCL1A	chr14:96176303-96180533	0	0	0	1
XLOC_006966	LOC100129345	chr14:98098983-98152995	0	0	0	1
XLOC_006967	C14orf64	chr14:98391946-98444461	0	0	0	1
XLOC_006975	RTL1	chr14:101346991-10135111	0	0	0	1
XLOC_006976	DIO3OS	chr14:102018559-10202201	0	0	0	1
XLOC_006977	MIR1247	chr14:102026623-10202671	0	0	0	1
XLOC_006983	LINC00605	chr14:103653557-10365531	0	0	0	1
XLOC_006989	RD3L	chr14:104394816-10451900	0	0	0	1
XLOC_006990	MIR3545	chr14:104583741-10458381	0	0	0	1
XLOC_006991	TMEM179	chr14:105060419-10507101	0	0	0	1
XLOC_006992	MIR4710	chr14:105144030-10514401	0	0	0	1
XLOC_007000	ELK2AP	chr14:106135913-10613914	0	0	0	1
XLOC_007001	ADAM6	chr14:106435818-10643831	0	0	0	1
XLOC_007002	CHEK2P2	chr15:20487996-20496811	0	0	0	1
XLOC_007003	GOLGA8CP	chr15:20767673-20781026	0	0	0	1
XLOC_007004	CT60	chr15:21145766-21198633	0	0	0	1
XLOC_007005	OR4M2	chr15:22278031-22371088	0	0	0	1
XLOC_007006	OR4N4	chr15:22382472-22383815	0	0	0	1
XLOC_007007	OR4N3P	chr15:22413461-22414395	0	0	0	1
XLOC_007008	REREP3	chr15:22546564-22570831	0	0	0	1
XLOC_007009	GOLGA6L1	chr15:22736245-22746002	0	0	0	1
XLOC_007016	MKRN3	chr15:23810453-23813166	0	0	0	1
XLOC_007017	PWRN1	chr15:24803303-24832926	0	0	0	1
XLOC_007020	PAR-SN	chr15:25227140-25228937	0	0	0	1
XLOC_007022	SNORD109A	chr15:25287120-25287187	0	0	0	1
XLOC_007023	SNORD116-1	chr15:25296622-25296719	0	0	0	1
XLOC_007024	SNORD116-2	chr15:25299355-25299452	0	0	0	1
XLOC_007025	SNORD116-9	chr15:25302005-25302102	0	0	0	1
XLOC_007026	SNORD116-4	chr15:25304683-25304781	0	0	0	1
XLOC_007027	SNORD116-5	chr15:25307478-25307575	0	0	0	1
XLOC_007028	SNORD116-6	chr15:25310171-25310269	0	0	0	1
XLOC_007029	SNORD116-7	chr15:25312933-25313030	0	0	0	1
XLOC_007030	SNORD116-8	chr15:25315577-25315674	0	0	0	1
XLOC_007031	SNORD116-9	chr15:25318252-25318349	0	0	0	1
XLOC_007032	SNORD116-10	chr15:25319259-25319363	0	0	0	1
XLOC_007033	SNORD116-11	chr15:25321074-25321168	0	0	0	1
XLOC_007034	SNORD116-12	chr15:25322196-25322290	0	0	0	1
XLOC_007035	SNORD116-13	chr15:25324203-25324297	0	0	0	1
XLOC_007036	SNORD116-14	chr15:25325287-25325381	0	0	0	1
XLOC_007037	SNORD116-15	chr15:25326432-25326526	0	0	0	1
XLOC_007038	SNORD116-16	chr15:25327913-25328007	0	0	0	1
XLOC_007039	SNORD116-17	chr15:25328733-25328827	0	0	0	1
XLOC_007040	SNORD116-18	chr15:25330530-25330624	0	0	0	1
XLOC_007041	SNORD116-19	chr15:25331672-25331766	0	0	0	1
XLOC_007042	SNORD116-20	chr15:25332807-25332901	0	0	0	1
XLOC_007043	SNORD116-21	chr15:25333949-25334043	0	0	0	1
XLOC_007044	SNORD116-22	chr15:25335068-25335162	0	0	0	1
XLOC_007045	SNORD116-23	chr15:25336931-25337025	0	0	0	1
XLOC_007046	SNORD116-24	chr15:25339182-25339276	0	0	0	1
XLOC_007047	SNORD116-25	chr15:25342808-25342902	0	0	0	1
XLOC_007048	SNORD116-26	chr15:25344644-25344742	0	0	0	1
XLOC_007049	SNORD116-27	chr15:25346720-25346814	0	0	0	1
XLOC_007050	SNORD116-28	chr15:25349787-25349880	0	0	0	1
XLOC_007051	SNORD116-29	chr15:25351666-25351751	0	0	0	1
XLOC_007053	PAR1	chr15:25380788-25383200	0	0	0	1
XLOC_007054	SNORD115-1	chr15:25415869-25415951	0	0	0	1
XLOC_007055	SNORD115-2	chr15:25417781-25417863	0	0	0	1
XLOC_007056	SNORD115-3	chr15:25420073-25420155	0	0	0	1
XLOC_007057	SNORD115-4	chr15:25421978-25422060	0	0	0	1
XLOC_007058	SNORD115-5	chr15:25423884-25423966	0	0	0	1
XLOC_007059	SNORD115-6	chr15:25425643-25425725	0	0	0	1
XLOC_007060	SNORD115-7	chr15:25427531-25427613	0	0	0	1
XLOC_007061	SNORD115-8	chr15:25429452-25429534	0	0	0	1
XLOC_007062	SNORD115-9	chr15:25430777-25430859	0	0	0	1
XLOC_007063	SNORD115-10	chr15:25432682-25432763	0	0	0	1
XLOC_007064	SNORD115-43	chr15:25434560-25434642	0	0	0	1
XLOC_007065	SNORD115-10	chr15:25436562-25436644	0	0	0	1
XLOC_007066	SNORD115-13	chr15:25438467-25438549	0	0	0	1
XLOC_007067	SNORD115-14	chr15:25440067-25440148	0	0	0	1
XLOC_007068	SNORD115-16	chr15:25444594-25444676	0	0	0	1
XLOC_007069	SNORD115-18	chr15:25446469-25446551	0	0	0	1
XLOC_007070	SNORD115-18	chr15:25448373-25448455	0	0	0	1
XLOC_007071	SNORD115-17	chr15:25449503-25449585	0	0	0	1
XLOC_007072	SNORD115-15,SNORD115-	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007073	SNORD115-22	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007074	PAR4	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007075	SNORD115-24	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1

XLOC_007076	SNORD115-25	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007077	SNORD115-26	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007078	SNORD115-27	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007079	SNORD115-28	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007080	SNORD115-11	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007081	SNORD115-30	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007082	SNORD115-31	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007083	SNORD115-32	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007084	SNORD115-33	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007085	SNORD115-35	chr15:25479393-25479475	0	0	0	1
XLOC_007086	SNORD115-11	chr15:25481231-25481313	0	0	0	1
XLOC_007087	SNORD115-37	chr15:25483132-25483214	0	0	0	1
XLOC_007088	SNORD115-38	chr15:25484984-25485066	0	0	0	1
XLOC_007089	SNORD115-39	chr15:25486892-25486974	0	0	0	1
XLOC_007090	SNORD115-40	chr15:25488760-25488842	0	0	0	1
XLOC_007091	SNORD115-41	chr15:25490624-25490706	0	0	0	1
XLOC_007092	SNORD115-10	chr15:25492491-25492573	0	0	0	1
XLOC_007093	SNORD115-11	chr15:25494344-25494426	0	0	0	1
XLOC_007094	SNORD115-44	chr15:25496005-25496087	0	0	0	1
XLOC_007095	SNORD115-45	chr15:25509673-25509726	0	0	0	1
XLOC_007096	SNORD115-47	chr15:25513663-25513696	0	0	0	1
XLOC_007097	SNORD115-48	chr15:25514929-25515005	0	0	0	1
XLOC_007098	SNORD109B	chr15:25523489-25523556	0	0	0	1
XLOC_007099	LOC100128714	chr15:26147506-26298267	0	0	0	1
XLOC_007100	LOC503519	chr15:26360959-26378184	0	0	0	1
XLOC_007101	GABRA5	chr15:27111865-27194357	0	0	0	1
XLOC_007102	GABRG3	chr15:27216428-27778373	0	0	0	1
XLOC_007103	GOLGA8F,GOLGA8G	chr15:28623783-28637171	0	0	0	1
XLOC_007104	MIR4509-1	chr15:28671636-28671730	0	0	0	1
XLOC_007107	LOC100289656	chr15:29033388-29034538	0	0	0	1
XLOC_007110	ULK4P3	chr15:30395934-30423948	0	0	0	1
XLOC_007113	ULK4P2	chr15:30864757-30892911	0	0	0	1
XLOC_007122	GREM1	chr15:33010204-33026870	0	0	0	1
XLOC_007129	ATPBD4-AS1	chr15:35663169-36151202	0	0	0	1
XLOC_007130	MIR4510	chr15:36219056-36219124	0	0	0	1
XLOC_007132	TMCO5A	chr15:38227456-38243623	0	0	0	1
XLOC_007135	C15orf53	chr15:38988798-38992239	0	0	0	1
XLOC_007136	C15orf54	chr15:39542884-39547048	0	0	0	1
XLOC_007137	THBS1	chr15:39873279-39889668	0	0	0	1
XLOC_007141	PHGR1	chr15:40643233-40648634	0	0	0	1
XLOC_007164	MIR626	chr15:41952609-42062141	0	0	0	1
XLOC_007174	ADAL	chr15:43622871-43646096	0	0	0	1
XLOC_007176	RNU6-28	chr15:43663312-43910998	0	0	0	1
XLOC_007188	C15orf43	chr15:45248899-45271421	0	0	0	1
XLOC_007190	DUOXA2	chr15:45406522-45422075	0	0	0	1
XLOC_007199	SEMA6D	chr15:47476402-48066420	0	0	0	1
XLOC_007200	SLC24A5	chr15:48413168-48470558	0	0	0	1
XLOC_007201	CTXN2	chr15:48483866-48495951	0	0	0	1
XLOC_007202	SLC12A1	chr15:48498497-48596275	0	0	0	1
XLOC_007211	MIR4712	chr15:50652525-50652607	0	0	0	1
XLOC_007215	MIR4713	chr15:51500253-51630795	0	0	0	1
XLOC_007216	GLDN	chr15:51633712-51700209	0	0	0	1
XLOC_007217	SCG3	chr15:51973549-52013223	0	0	0	1
XLOC_007221	UNC13C	chr15:54305100-54920806	0	0	0	1
XLOC_007229	AQP9	chr15:58430407-58478110	0	0	0	1
XLOC_007230	LIPC	chr15:58724174-58861073	0	0	0	1
XLOC_007237	FOXB1	chr15:60296420-60298142	0	0	0	1
XLOC_007240	MIR190A	chr15:62939509-63136829	0	0	0	1
XLOC_007258	MIR4311	chr15:66187633-66546075	0	0	0	1
XLOC_007271	MIR548H4	chr15:69116302-69564544	0	0	0	1
XLOC_007272	NOX5,SPESP1	chr15:69116302-69564544	0	0	0	1
XLOC_007273	LINC00277	chr15:69116302-69564544	0	0	0	1
XLOC_007279	LINC00593	chr15:70127572-70135306	0	0	0	1
XLOC_007285	TMEM202	chr15:72690667-72700708	0	0	0	1
XLOC_007287	MIR630	chr15:72879557-72879654	0	0	0	1
XLOC_007288	GOLGA6B	chr15:72947037-72959738	0	0	0	1
XLOC_007292	C15orf60	chr15:73735498-73925753	0	0	0	1
XLOC_007294	TBC1D21	chr15:74165967-74181556	0	0	0	1
XLOC_007298	ISLR	chr15:74466086-74469212	0	0	0	1
XLOC_007299	CCDC33	chr15:74528629-74628482	0	0	0	1
XLOC_007304	CYP1A2	chr15:75041183-75048941	0	0	0	1
XLOC_007313	GOLGA6D	chr15:75575181-75588148	0	0	0	1
XLOC_007325	LOC253044	chr15:77934105-77941581	0	0	0	1
XLOC_007326	MIR5003	chr15:78375874-78375901	0	0	0	1
XLOC_007330	CRABP1	chr15:78632665-78640572	0	0	0	1
XLOC_007335	LOC646938	chr15:79044378-79045734	0	0	0	1
XLOC_007337	MIR184	chr15:79484048-79590581	0	0	0	1
XLOC_007338	ANKRD34C	chr15:79484048-79590581	0	0	0	1
XLOC_007351	LOC390660	chr15:82585620-82626915	0	0	0	1

XLOC_007352	UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	chr15:82647285-82708204	0	0	0	1
XLOC_007354	LOC440297	chr15:82753446-82798352	0	0	0	1
XLOC_007355	LOC390660	chr15:82882945-82924242	0	0	0	1
XLOC_007357	UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	chr15:83023772-83084729	0	0	0	1
XLOC_007359	LOC440297	chr15:83130032-83182930	0	0	0	1
XLOC_007360	LOC283692	chr15:83211950-83378635	0	0	0	1
XLOC_007361	SCARNA15	chr15:83424696-83424823	0	0	0	1
XLOC_007364	MIR4515	chr15:83685180-83736167	0	0	0	1
XLOC_007365	TM6SF1	chr15:83776323-83806111	0	0	0	1
XLOC_007366	SH3GL3	chr15:84116090-84287493	0	0	0	1
XLOC_007367	ADAMTSL3	chr15:84322837-84708593	0	0	0	1
XLOC_007381	AGBL1	chr15:86685241-87572283	0	0	0	1
XLOC_007382	LINC00052	chr15:88120159-88122917	0	0	0	1
XLOC_007383	NTRK3-AS1	chr15:88419987-88814297	0	0	0	1
XLOC_007385	MIR1179	chr15:89151337-89151428	0	0	0	1
XLOC_007386	MIR7-2	chr15:89155055-89155165	0	0	0	1
XLOC_007389	ACAN	chr15:89346673-89418585	0	0	0	1
XLOC_007392	MIR9-3	chr15:89911247-89911337	0	0	0	1
XLOC_007393	LOC254559	chr15:89921272-89941718	0	0	0	1
XLOC_007412	SV2B	chr15:91643181-91844539	0	0	0	1
XLOC_007414	ST8SIA2	chr15:92937139-93011958	0	0	0	1
XLOC_007415	C15orf32	chr15:93014906-93044347	0	0	0	1
XLOC_007419	MIR3175	chr15:93443550-93571237	0	0	0	1
XLOC_007424	MIR1469	chr15:96869156-96883492	0	0	0	1
XLOC_007425	SPATA8	chr15:97326678-97328845	0	0	0	1
XLOC_007428	MIR4714	chr15:99192760-99507759	0	0	0	1
XLOC_007436	OR4F6	chr15:102345922-10234688	0	0	0	1
XLOC_007437	OR4F15	chr15:102358389-10235932	0	0	0	1
XLOC_007438	OR4F13P	chr15:102382321-10239052	0	0	0	1
XLOC_007439	FAM138E	chr15:102495087-10249652	0	0	0	1
XLOC_007442	GOLGA6L6	chr15:20737093-20747114	0	0	0	1
XLOC_007444	POTEB	chr15:21040700-21071977	0	0	0	1
XLOC_007445	NF1P2	chr15:21122020-21134625	0	0	0	1
XLOC_007447	CXADRP2	chr15:22014419-22016878	0	0	0	1
XLOC_007448	POTEB	chr15:22051852-22083137	0	0	0	1
XLOC_007449	NF1P2	chr15:22133180-22145802	0	0	0	1
XLOC_007450	MIR4509-3	chr15:22675147-22675241	0	0	0	1
XLOC_007451	GOLGA8DP	chr15:22702284-22715728	0	0	0	1
XLOC_007457	LOC440243	chr15:23569671-23579379	0	0	0	1
XLOC_007458	MIR4508	chr15:23807208-23807278	0	0	0	1
XLOC_007459	MAGEL2	chr15:23888695-23892993	0	0	0	1
XLOC_007460	NDN	chr15:23930553-23932450	0	0	0	1
XLOC_007461	PWRN2	chr15:24409925-24415053	0	0	0	1
XLOC_007463	ATP10A	chr15:25923859-26108349	0	0	0	1
XLOC_007464	MIR4715	chr15:25923859-26108349	0	0	0	1
XLOC_007468	MIR4509-1	chr15:28735897-28735991	0	0	0	1
XLOC_007469	GOLGA8F,GOLGA8G	chr15:28764756-28778143	0	0	0	1
XLOC_007471	FAM189A1	chr15:29412454-29862927	0	0	0	1
XLOC_007476	TRPM1	chr15:31293263-31453476	0	0	0	1
XLOC_007477	MIR211	chr15:31293263-31453476	0	0	0	1
XLOC_007478	LOC283710	chr15:31514970-31523050	0	0	0	1
XLOC_007480	ULK4P1,ULK4P3	chr15:32698800-32727250	0	0	0	1
XLOC_007483	TMCO5B	chr15:33528676-33539756	0	0	0	1
XLOC_007491	MIR1233-2	chr15:34671269-34729667	0	0	0	1
XLOC_007493	MIR1233-1	chr15:34817483-34875771	0	0	0	1
XLOC_007494	GJD2	chr15:35044641-35046782	0	0	0	1
XLOC_007495	ACTC1	chr15:35080296-35087927	0	0	0	1
XLOC_007499	MIR3942	chr15:35663169-36151202	0	0	0	1
XLOC_007501	LOC145845	chr15:37156643-37178734	0	0	0	1
XLOC_007526	MIR4310	chr15:42120282-42186275	0	0	0	1
XLOC_007528	PLA2G4E	chr15:42273779-42342901	0	0	0	1
XLOC_007530	PLA2G4F	chr15:42433331-42448839	0	0	0	1
XLOC_007532	MIR627	chr15:42450898-42500502	0	0	0	1
XLOC_007539	EPB42	chr15:43489425-43513323	0	0	0	1
XLOC_007540	TGM5	chr15:43524792-43559055	0	0	0	1
XLOC_007541	TGM7	chr15:43568478-43594453	0	0	0	1
XLOC_007542	LCMT2	chr15:43619973-43622820	0	0	0	1
XLOC_007569	MIR4716	chr15:49447975-49913118	0	0	0	1
XLOC_007579	CYP19A1	chr15:51500253-51630795	0	0	0	1
XLOC_007586	MIR1266	chr15:52484514-52587995	0	0	0	1
XLOC_007591	WDR72	chr15:53805937-54051859	0	0	0	1
XLOC_007595	MIR628	chr15:55611132-55800432	0	0	0	1
XLOC_007596	PYGO1	chr15:55838220-55881050	0	0	0	1
XLOC_007597	PRTG	chr15:55903738-56035177	0	0	0	1
XLOC_007603	ALDH1A2	chr15:58245621-58358121	0	0	0	1
XLOC_007608	MIR2116	chr15:59428167-59665071	0	0	0	1
XLOC_007615	C2CD4B	chr15:62455736-62457482	0	0	0	1
XLOC_007616	MGC15885	chr15:62929370-62937380	0	0	0	1
XLOC_007628	MIR1272	chr15:65032094-65067770	0	0	0	1

XLOC_007632	RASL12	chr15:65337707-65360388	0	0	0	1
XLOC_007643	MIR4511	chr15:65952956-66084631	0	0	0	1
XLOC_007649	SNORD18C	chr15:66791652-66797193	0	0	0	1
XLOC_007650	SNORD18B	chr15:66791652-66797193	0	0	0	1
XLOC_007652	SNORD18A	chr15:66791652-66797193	0	0	0	1
XLOC_007660	MIR4312	chr15:69070874-69113261	0	0	0	1
XLOC_007663	MIR629	chr15:70340542-70390256	0	0	0	1
XLOC_007678	C15orf59	chr15:74032140-74043816	0	0	0	1
XLOC_007681	GOLGA6A	chr15:74362197-74374891	0	0	0	1
XLOC_007684	CYP11A1	chr15:74630102-74660081	0	0	0	1
XLOC_007689	MIR4513	chr15:75074424-75095539	0	0	0	1
XLOC_007695	MIR631	chr15:75639330-75647592	0	0	0	1
XLOC_007703	MIR4313	chr15:76054555-76054656	0	0	0	1
XLOC_007711	LINC00597	chr15:77400497-77712446	0	0	0	1
XLOC_007713	LOC645752	chr15:78206558-78219188	0	0	0	1
XLOC_007720	CHRNA4	chr15:78916635-78933587	0	0	0	1
XLOC_007721	ADAMTS7	chr15:79051544-79103773	0	0	0	1
XLOC_007724	LOC729911	chr15:79484048-79590581	0	0	0	1
XLOC_007728	MIR549	chr15:81071711-81243999	0	0	0	1
XLOC_007730	MIR4514	chr15:81289757-81289814	0	0	0	1
XLOC_007732	TMC3	chr15:81624759-81666418	0	0	0	1
XLOC_007738	LOC440297	chr15:82944792-82986427	0	0	0	1
XLOC_007740	AGSK1,LOC727849	chr15:83130032-83182930	0	0	0	1
XLOC_007743	AP3B2	chr15:83211950-83378635	0	0	0	1
XLOC_007746	FSD2	chr15:83428023-83474806	0	0	0	1
XLOC_007751	BNC1	chr15:83924654-83953468	0	0	0	1
XLOC_007758	LOC642423	chr15:85747906-85748518	0	0	0	1
XLOC_007760	MIR1276	chr15:86302558-86338189	0	0	0	1
XLOC_007761	LOC727915	chr15:86685241-87572283	0	0	0	1
XLOC_007765	MIR3529	chr15:89155055-89155165	0	0	0	1
XLOC_007768	RLBP1	chr15:89753097-89764922	0	0	0	1
XLOC_007770	RHCG	chr15:90014637-90039799	0	0	0	1
XLOC_007771	LOC283761	chr15:90048160-90067265	0	0	0	1
XLOC_007778	MIR5094	chr15:90373830-90456222	0	0	0	1
XLOC_007787	RGMA	chr15:93586635-93632443	0	0	0	1
XLOC_007788	LOC400456	chr15:95822518-95870329	0	0	0	1
XLOC_007790	FAM169B	chr15:98980390-99057611	0	0	0	1
XLOC_007794	DNM1P46	chr15:100330360-10034711	0	0	0	1
XLOC_007806	OR4F4	chr15:102462344-10246326	0	0	0	1
XLOC_007807	DDX11L9	chr15:102501015-10251925	0	0	0	1
XLOC_007808	DDX11L10	chr16:61554-64090	0	0	0	1
XLOC_007811	HBZ	chr16:202853-204504	0	0	0	1
XLOC_007812	HBM	chr16:215972-216767	0	0	0	1
XLOC_007815	HBQ1	chr16:230332-231178	0	0	0	1
XLOC_007824	MIR5587	chr16:577855-604636	0	0	0	1
XLOC_007825	MIR3176	chr16:577855-604636	0	0	0	1
XLOC_007840	MIR662	chr16:820182-820277	0	0	0	1
XLOC_007842	PRR25	chr16:855442-863861	0	0	0	1
XLOC_007846	TPSAB1	chr16:1290677-1292555	0	0	0	1
XLOC_007847	TPSD1	chr16:1306272-1308494	0	0	0	1
XLOC_007852	TMEM204	chr16:1543351-1662109	0	0	0	1
XLOC_007856	MIR3177	chr16:1756220-1820318	0	0	0	1
XLOC_007870	MIR4516	chr16:2097989-2185899	0	0	0	1
XLOC_007876	MIR3677	chr16:2320713-2320773	0	0	0	1
XLOC_007877	MIR940	chr16:2321747-2321841	0	0	0	1
XLOC_007878	MIR4717	chr16:2324620-2324692	0	0	0	1
XLOC_007882	NTN3	chr16:2521499-2524146	0	0	0	1
XLOC_007891	PRSS41	chr16:2848485-2855133	0	0	0	1
XLOC_007893	ZG16B	chr16:2880172-2882285	0	0	0	1
XLOC_007907	OR1F1	chr16:3254246-3255185	0	0	0	1
XLOC_007912	OR2C1	chr16:3405888-3406924	0	0	0	1
XLOC_007921	C16orf96	chr16:4606490-4650318	0	0	0	1
XLOC_007930	RBFOX1	chr16:6069131-7763340	0	0	0	1
XLOC_007935	MIR548X	chr16:9328773-9328803	0	0	0	1
XLOC_007938	CIITA	chr16:10971054-11018840	0	0	0	1
XLOC_007942	TNFRSF17	chr16:12058963-12061925	0	0	0	1
XLOC_007944	MIR4718	chr16:12753655-12897744	0	0	0	1
XLOC_007948	MIR193B	chr16:14397823-14397906	0	0	0	1
XLOC_007949	MIR365A	chr16:14403141-14403228	0	0	0	1
XLOC_007952	MIR3179-3	chr16:14995364-14995448	0	0	0	1
XLOC_007953	MIR3180-3	chr16:15005076-15005170	0	0	0	1
XLOC_007961	MIR3179-1	chr16:16394015-16394099	0	0	0	1
XLOC_007962	MIR3180-1	chr16:16403731-16403825	0	0	0	1
XLOC_007964	ABCC6P1	chr16:18582569-18609607	0	0	0	1
XLOC_007969	CLEC19A	chr16:19297104-19322269	0	0	0	1
XLOC_007974	ACSM5	chr16:20420855-20452281	0	0	0	1
XLOC_007975	ACSM2A	chr16:20462858-20498991	0	0	0	1
XLOC_007993	MIR548D2	chr16:22729602-22803363	0	0	0	1
XLOC_007994	HS3ST2	chr16:22825859-22927659	0	0	0	1

XLOC_007995	SCNN1G	chr16:23194039-23228200	0	0	0	1
XLOC_007996	SCNN1B	chr16:23313590-23392620	0	0	0	1
XLOC_008000	CHP2	chr16:23765947-23770256	0	0	0	1
XLOC_008001	PRKCB	chr16:23847299-24231932	0	0	0	1
XLOC_008002	CACNG3	chr16:24266873-24373737	0	0	0	1
XLOC_008009	HS3ST4	chr16:25703346-26149009	0	0	0	1
XLOC_008010	C16orf82	chr16:27078218-27080487	0	0	0	1
XLOC_008012	FLJ21408	chr16:27236314-27301789	0	0	0	1
XLOC_008023	CD19	chr16:28943259-28950668	0	0	0	1
XLOC_008025	MIR4517	chr16:28962317-28977767	0	0	0	1
XLOC_008030	LOC606724	chr16:29460665-29461236	0	0	0	1
XLOC_008031	SLX1A,SLX1B,SULT1A3	chr16:29464913-29478899	0	0	0	1
XLOC_008034	ZG16	chr16:29789560-29792969	0	0	0	1
XLOC_008044	C16orf92	chr16:30034654-30042186	0	0	0	1
XLOC_008053	MIR4518	chr16:30483982-30534506	0	0	0	1
XLOC_008057	SNORA30	chr16:30710461-30751450	0	0	0	1
XLOC_008083	TP53TG3D	chr16:32264649-32267243	0	0	0	1
XLOC_008084	TP53TG3,TP53TG3B	chr16:33205584-33208179	0	0	0	1
XLOC_008085	TP53TG3,TP53TG3B	chr16:33262119-33264719	0	0	0	1
XLOC_008086	LOC283914	chr16:34597786-34626084	0	0	0	1
XLOC_008091	MIR548AE2	chr16:48274602-48420559	0	0	0	1
XLOC_008094	C16orf78	chr16:49407807-49433319	0	0	0	1
XLOC_008100	NOD2	chr16:50731049-50766987	0	0	0	1
XLOC_008107	MMP2	chr16:55513080-55540586	0	0	0	1
XLOC_008110	SLC6A2	chr16:55689541-55740104	0	0	0	1
XLOC_008111	CES1P2	chr16:55758836-55784123	0	0	0	1
XLOC_008112	CES1P1	chr16:55794510-55808826	0	0	0	1
XLOC_008114	MIR3935	chr16:56225250-56391356	0	0	0	1
XLOC_008116	MT4	chr16:56598960-56602869	0	0	0	1
XLOC_008117	MT3	chr16:56623266-56625000	0	0	0	1
XLOC_008123	MT1A	chr16:56672577-56673999	0	0	0	1
XLOC_008131	MIR138-2	chr16:56892429-56892513	0	0	0	1
XLOC_008132	SLC12A3	chr16:56899118-56949762	0	0	0	1
XLOC_008139	CCL22	chr16:57392694-57400102	0	0	0	1
XLOC_008140	CX3CL1	chr16:57406413-57418956	0	0	0	1
XLOC_008141	CCL17	chr16:57438678-57449974	0	0	0	1
XLOC_008146	GPR97	chr16:57702156-57723290	0	0	0	1
XLOC_008149	TEPP	chr16:58010338-58022017	0	0	0	1
XLOC_008176	LRRC36	chr16:67360746-67419109	0	0	0	1
XLOC_008196	CDH1	chr16:68771194-68869444	0	0	0	1
XLOC_008206	MIR140	chr16:69796186-69975644	0	0	0	1
XLOC_008208	MIR1972-2	chr16:70010201-70099851	0	0	0	1
XLOC_008210	CLEC18C	chr16:70207927-70220798	0	0	0	1
XLOC_008215	SNORD111B	chr16:70557690-70611571	0	0	0	1
XLOC_008216	SNORD111	chr16:70557690-70611571	0	0	0	1
XLOC_008220	CHST4	chr16:71560022-71572493	0	0	0	1
XLOC_008226	HPR	chr16:72097124-72111145	0	0	0	1
XLOC_008228	HTA	chr16:73126247-73127672	0	0	0	1
XLOC_008229	LOC100506172	chr16:73420703-73455295	0	0	0	1
XLOC_008233	CTRB1	chr16:75252883-75258822	0	0	0	1
XLOC_008236	CNTNAP4	chr16:76311175-76593135	0	0	0	1
XLOC_008237	MIR4719	chr16:76902832-76902916	0	0	0	1
XLOC_008240	VAT1L	chr16:77822482-78014001	0	0	0	1
XLOC_008241	CLEC3A	chr16:78056442-78066001	0	0	0	1
XLOC_008243	DYNLRB2	chr16:80574853-80584541	0	0	0	1
XLOC_008246	BCMO1	chr16:81272295-81324747	0	0	0	1
XLOC_008248	MIR4720	chr16:81418622-81418698	0	0	0	1
XLOC_008252	HSD17B2	chr16:82068857-82132139	0	0	0	1
XLOC_008253	CDH13	chr16:82660398-83830215	0	0	0	1
XLOC_008254	MIR3182	chr16:82660398-83830215	0	0	0	1
XLOC_008260	ADAD2	chr16:84224722-84230772	0	0	0	1
XLOC_008261	WFDC1	chr16:84328400-84363450	0	0	0	1
XLOC_008267	LOC400548	chr16:85170755-85183049	0	0	0	1
XLOC_008271	IRF8	chr16:85932773-85956211	0	0	0	1
XLOC_008272	LOC146513	chr16:86320036-86326995	0	0	0	1
XLOC_008275	FOXC2	chr16:86600856-86602537	0	0	0	1
XLOC_008282	MIR5189	chr16:88520013-88601574	0	0	0	1
XLOC_008330	TPSG1	chr16:1203240-1275254	0	0	0	1
XLOC_008331	TPSB2	chr16:1278335-1280185	0	0	0	1
XLOC_008345	LINC00254	chr16:1928285-1934232	0	0	0	1
XLOC_008346	HS3ST6	chr16:1961464-1968231	0	0	0	1
XLOC_008348	RPL3L	chr16:1994579-2004679	0	0	0	1
XLOC_008356	MIR1225	chr16:2097989-2185899	0	0	0	1
XLOC_008357	MIR3180-5	chr16:2185977-2186130	0	0	0	1
XLOC_008366	MIR3178	chr16:2581922-2582006	0	0	0	1
XLOC_008386	C16orf90	chr16:3543483-3545421	0	0	0	1
XLOC_008408	TMEM114	chr16:8619501-8622226	0	0	0	1
XLOC_008412	GRIN2A	chr16:9847264-10276611	0	0	0	1
XLOC_008418	TNP2	chr16:11361713-11363160	0	0	0	1

XLOC_008419	PRM3	chr16:11367143-11367452	0	0	0	1
XLOC_008420	PRM2	chr16:11369492-11370337	0	0	0	1
XLOC_008421	PRM1	chr16:11374692-11375192	0	0	0	1
XLOC_008431	ABCC6P2	chr16:14916288-14918559	0	0	0	1
XLOC_008434	MIR3180-4	chr16:15248706-15248859	0	0	0	1
XLOC_008440	MIR3180-1	chr16:18496034-18496128	0	0	0	1
XLOC_008441	MIR3179-1	chr16:18505750-18505834	0	0	0	1
XLOC_008448	GPRC5B	chr16:19870292-19896151	0	0	0	1
XLOC_008449	GPR139	chr16:20043042-20085100	0	0	0	1
XLOC_008450	GP2	chr16:20321810-20338835	0	0	0	1
XLOC_008451	UMOD	chr16:20344372-20364037	0	0	0	1
XLOC_008452	PDILT	chr16:20370491-20416033	0	0	0	1
XLOC_008453	ACSM2B	chr16:20548082-20587695	0	0	0	1
XLOC_008459	ZP2	chr16:21208772-21222868	0	0	0	1
XLOC_008465	IGSF6	chr16:21610855-21668792	0	0	0	1
XLOC_008470	MIR548AA2	chr16:22729602-22803363	0	0	0	1
XLOC_008488	IL27	chr16:28510682-28518155	0	0	0	1
XLOC_008495	BOLA2B	chr16:29464913-29478899	0	0	0	1
XLOC_008496	LOC388242	chr16:29464913-29478899	0	0	0	1
XLOC_008510	BOLA2B	chr16:30204255-30218248	0	0	0	1
XLOC_008511	LOC388242	chr16:30204255-30218248	0	0	0	1
XLOC_008528	MIR4519	chr16:30886586-30886644	0	0	0	1
XLOC_008539	COX6A2	chr16:31439051-31439749	0	0	0	1
XLOC_008544	LOC390705	chr16:32300867-32301302	0	0	0	1
XLOC_008545	TP53TG3	chr16:32684848-32687448	0	0	0	1
XLOC_008547	LOC390705	chr16:33298267-33298702	0	0	0	1
XLOC_008548	RNU6-76	chr16:33463506-33563243	0	0	0	1
XLOC_008551	LOC146481	chr16:34711784-34714967	0	0	0	1
XLOC_008552	LOC100130700	chr16:34739458-34740840	0	0	0	1
XLOC_008561	ABCC12	chr16:48116883-48180681	0	0	0	1
XLOC_008565	CBLN1	chr16:49311828-49315742	0	0	0	1
XLOC_008568	SNX20	chr16:50700210-50715264	0	0	0	1
XLOC_008569	SALL1	chr16:51169885-51185183	0	0	0	1
XLOC_008570	C16orf97	chr16:52060263-52107847	0	0	0	1
XLOC_008571	LOC100505619	chr16:52116976-52119021	0	0	0	1
XLOC_008572	TOX3	chr16:52471917-52581714	0	0	0	1
XLOC_008573	LOC643714	chr16:52585998-52640887	0	0	0	1
XLOC_008574	LOC643802	chr16:53403273-53405041	0	0	0	1
XLOC_008577	IRX3	chr16:54317211-54320378	0	0	0	1
XLOC_008579	CES1	chr16:55836763-55867075	0	0	0	1
XLOC_008580	CES5A	chr16:55880065-55989943	0	0	0	1
XLOC_008581	LOC283856	chr16:56126898-56225006	0	0	0	1
XLOC_008582	DKFZP434H168	chr16:56225250-56391356	0	0	0	1
XLOC_008593	CNGB1	chr16:57916243-58005020	0	0	0	1
XLOC_008603	LOC644649	chr16:59788044-59789095	0	0	0	1
XLOC_008604	CDH8	chr16:61685914-62070739	0	0	0	1
XLOC_008605	CDH11	chr16:64980682-65155919	0	0	0	1
XLOC_008612	CDH16	chr16:66942024-66952887	0	0	0	1
XLOC_008619	MIR328	chr16:67233027-67237927	0	0	0	1
XLOC_008626	AGRP	chr16:67516473-67517716	0	0	0	1
XLOC_008635	DPEP3	chr16:68009565-68014452	0	0	0	1
XLOC_008645	MIR1538	chr16:69599710-69599771	0	0	0	1
XLOC_008663	SNORA70D	chr16:71678851-71748704	0	0	0	1
XLOC_008665	SNORD71	chr16:71762904-71842976	0	0	0	1
XLOC_008679	CTRB2	chr16:75237993-75241072	0	0	0	1
XLOC_008688	ADAMTS18	chr16:77316024-77469011	0	0	0	1
XLOC_008695	SDR42E1	chr16:82031250-82045093	0	0	0	1
XLOC_008701	KCNG4	chr16:84254740-84273356	0	0	0	1
XLOC_008705	FAM92B	chr16:85131964-85146114	0	0	0	1
XLOC_008706	MIR5093	chr16:85339831-85339931	0	0	0	1
XLOC_008709	MIR1910	chr16:85741123-85784689	0	0	0	1
XLOC_008711	LOC732275	chr16:86365455-86379285	0	0	0	1
XLOC_008719	CA5A	chr16:87921624-87970112	0	0	0	1
XLOC_008725	MIR4722	chr16:88772890-88851372	0	0	0	1
XLOC_008747	BHLHA9	chr17:1173857-1174565	0	0	0	1
XLOC_008748	TUSC5	chr17:1182956-1204281	0	0	0	1
XLOC_008760	OR1A2	chr17:3100812-3101742	0	0	0	1
XLOC_008761	OR1A1	chr17:3118914-3119844	0	0	0	1
XLOC_008762	OR1D4	chr17:3143969-3144559	0	0	0	1
XLOC_008763	OR3A4P	chr17:3213538-3214740	0	0	0	1
XLOC_008764	OR3A3	chr17:3323861-3324827	0	0	0	1
XLOC_008765	ASP	chr17:3377403-3402700	0	0	0	1
XLOC_008776	TM4SF5	chr17:4675186-4686506	0	0	0	1
XLOC_008788	LOC100130950	chr17:5095378-5138931	0	0	0	1
XLOC_008793	WSCD1	chr17:5973933-6027747	0	0	0	1
XLOC_008797	MIR4520B	chr17:6558758-6558828	0	0	0	1
XLOC_008798	ALOX15P1	chr17:6561037-6564701	0	0	0	1
XLOC_008800	FBXO39	chr17:6679551-6690965	0	0	0	1
XLOC_008801	ALOX12P2	chr17:6756894-6803668	0	0	0	1

XLOC_008804	BCL6B	chr17:6926368-6932961	0	0	0	1
XLOC_008812	TMEM95	chr17:7258496-7260538	0	0	0	1
XLOC_008829	ATP1B2	chr17:7554253-7561089	0	0	0	1
XLOC_008833	RPL29P2	chr17:7623038-7737058	0	0	0	1
XLOC_008840	GUCY2D	chr17:7905987-7923658	0	0	0	1
XLOC_008842	MIR4314	chr17:7991373-7991465	0	0	0	1
XLOC_008843	MIR4521	chr17:8090262-8090322	0	0	0	1
XLOC_008844	MIR3676	chr17:8090492-8090577	0	0	0	1
XLOC_008847	ARHGEF15	chr17:8213555-8225834	0	0	0	1
XLOC_008848	ODF4	chr17:8243187-8249363	0	0	0	1
XLOC_008853	GLP2R	chr17:9729380-9793022	0	0	0	1
XLOC_008855	TMEM220-AS1	chr17:10616638-10718481	0	0	0	1
XLOC_008856	SHISA6	chr17:11144739-11467380	0	0	0	1
XLOC_008859	MIR744	chr17:11924134-12047051	0	0	0	1
XLOC_008860	LINC00670	chr17:12453284-12540504	0	0	0	1
XLOC_008861	MYOCD	chr17:12569206-12670651	0	0	0	1
XLOC_008867	CDRT7	chr17:14934291-14935274	0	0	0	1
XLOC_008870	CDRT15P2	chr17:15668016-15669003	0	0	0	1
XLOC_008875	MIR1288	chr17:16120508-16229573	0	0	0	1
XLOC_008879	SNORD49A	chr17:16342300-16395505	0	0	0	1
XLOC_008880	SNORD65	chr17:16342300-16395505	0	0	0	1
XLOC_008886	SMCR9	chr17:17322657-17326728	0	0	0	1
XLOC_008897	EVPLL	chr17:18281078-18292960	0	0	0	1
XLOC_008898	LOC339240	chr17:18325494-18328647	0	0	0	1
XLOC_008899	KRT16P1	chr17:18343221-18346208	0	0	0	1
XLOC_008900	LGALS9C	chr17:18380098-18398259	0	0	0	1
XLOC_008906	GRAPL	chr17:19030781-19062148	0	0	0	1
XLOC_008911	SLC47A1	chr17:19437166-19482346	0	0	0	1
XLOC_008912	SNORA59B	chr17:19437166-19482346	0	0	0	1
XLOC_008916	CDRT15L2	chr17:20483036-20484224	0	0	0	1
XLOC_008921	FAM27L	chr17:21825369-21826499	0	0	0	1
XLOC_008922	FLJ36000	chr17:21904061-21913070	0	0	0	1
XLOC_008925	TBC1D3P5	chr17:25745030-25758649	0	0	0	1
XLOC_008930	PPY2	chr17:26574469-26575315	0	0	0	1
XLOC_008934	MIR4723	chr17:26684686-26689089	0	0	0	1
XLOC_008936	SLC13A2	chr17:26800663-26824798	0	0	0	1
XLOC_008937	FOXN1	chr17:26850958-26865175	0	0	0	1
XLOC_008941	SNORD42B	chr17:27046999-27053949	0	0	0	1
XLOC_008942	SNORD4A	chr17:27046999-27053949	0	0	0	1
XLOC_008943	SNORD42A	chr17:27046999-27053949	0	0	0	1
XLOC_008944	SNORD4B	chr17:27046999-27053949	0	0	0	1
XLOC_008948	MIR451B	chr17:27188386-27188458	0	0	0	1
XLOC_008951	MIR4523	chr17:27717679-27717748	0	0	0	1
XLOC_008957	MIR423	chr17:28443824-28513493	0	0	0	1
XLOC_008960	TBC1D29	chr17:28886583-28890509	0	0	0	1
XLOC_008970	MIR193A	chr17:29887014-29887102	0	0	0	1
XLOC_008971	MIR4725	chr17:29902287-29902377	0	0	0	1
XLOC_008972	MIR365B	chr17:29902429-29902540	0	0	0	1
XLOC_008983	CCL2	chr17:32582295-32584220	0	0	0	1
XLOC_008984	CCL7	chr17:32597234-32599261	0	0	0	1
XLOC_008985	CCL11	chr17:32612686-32615199	0	0	0	1
XLOC_008986	CCL8	chr17:32646065-32648421	0	0	0	1
XLOC_008987	CCL13	chr17:32683470-32685629	0	0	0	1
XLOC_008988	TMEM132E	chr17:32907767-32966337	0	0	0	1
XLOC_008994	SNORD7	chr17:33900675-33900772	0	0	0	1
XLOC_008999	CCL18	chr17:34391642-34398841	0	0	0	1
XLOC_009000	CCL4	chr17:34431219-34433014	0	0	0	1
XLOC_009001	CCL4L1	chr17:34538467-34540274	0	0	0	1
XLOC_009002	CCL4L2	chr17:34640033-34641840	0	0	0	1
XLOC_009008	LHX1	chr17:35294771-35301915	0	0	0	1
XLOC_009010	MIR2909	chr17:35306174-35414171	0	0	0	1
XLOC_009019	MIR4726	chr17:36861872-36886056	0	0	0	1
XLOC_009022	MIR4727	chr17:36982090-36982145	0	0	0	1
XLOC_009032	PNMT	chr17:37824233-37826728	0	0	0	1
XLOC_009034	MIR4728	chr17:37844392-37884915	0	0	0	1
XLOC_009036	ZPBP2	chr17:38024454-38034149	0	0	0	1
XLOC_009037	LRRC3C	chr17:38097726-38100987	0	0	0	1
XLOC_009040	CSF3	chr17:38171613-38174066	0	0	0	1
XLOC_009041	SNORD124	chr17:38175349-38210889	0	0	0	1
XLOC_009049	IGFBP4	chr17:38599675-38613982	0	0	0	1
XLOC_009053	KRTAP9-1	chr17:39346138-39346891	0	0	0	1
XLOC_009054	KRTAP9-2	chr17:39382899-39383904	0	0	0	1
XLOC_009055	KRTAP9-3	chr17:39388714-39389706	0	0	0	1
XLOC_009056	KRTAP9-8	chr17:39394269-39395256	0	0	0	1
XLOC_009057	KRTAP9-4	chr17:39405938-39406905	0	0	0	1
XLOC_009058	KRTAP9-9	chr17:39411635-39412616	0	0	0	1
XLOC_009059	LOC100505782	chr17:39558667-39568840	0	0	0	1
XLOC_009061	GAST	chr17:39868577-39872221	0	0	0	1
XLOC_009077	RAMP2	chr17:40905946-40915060	0	0	0	1

XLOC_009094	MIR2117	chr17:41522173-41522253	0	0	0	1
XLOC_009096	C17orf105	chr17:41857802-41862054	0	0	0	1
XLOC_009120	SPPL2C	chr17:43920721-44105699	0	0	0	1
XLOC_009122	MAPT-IT1	chr17:43920721-44105699	0	0	0	1
XLOC_009123	STH	chr17:43920721-44105699	0	0	0	1
XLOC_009126	NSFP1	chr17:44450178-44500463	0	0	0	1
XLOC_009129	WNT9B	chr17:44928967-44954437	0	0	0	1
XLOC_009131	MIR5089	chr17:45050382-45050466	0	0	0	1
XLOC_009133	ITGB3	chr17:45331207-45390077	0	0	0	1
XLOC_009138	TBX21	chr17:45810609-45823485	0	0	0	1
XLOC_009150	IGF2BP1	chr17:47074773-47133507	0	0	0	1
XLOC_009151	B4GALNT2	chr17:47209821-47247351	0	0	0	1
XLOC_009153	FLJ40194	chr17:47325604-47336027	0	0	0	1
XLOC_009154	NGFR	chr17:47572654-47592382	0	0	0	1
XLOC_009161	SGCA	chr17:48243365-48253293	0	0	0	1
XLOC_009171	ABCC3	chr17:48712217-48769063	0	0	0	1
XLOC_009173	WFIKKN2	chr17:48912604-48919709	0	0	0	1
XLOC_009177	C17orf112	chr17:51062879-51065012	0	0	0	1
XLOC_009178	KIF2B	chr17:51900238-51902573	0	0	0	1
XLOC_009184	NOG	chr17:54671059-54672951	0	0	0	1
XLOC_009187	RNF126P1	chr17:55122838-55124156	0	0	0	1
XLOC_009191	OR4D1	chr17:56232514-56233447	0	0	0	1
XLOC_009193	OR4D2	chr17:56247016-56247940	0	0	0	1
XLOC_009195	LPO	chr17:56315786-56345879	0	0	0	1
XLOC_009203	MIR4729	chr17:57409052-57479095	0	0	0	1
XLOC_009207	MIR21	chr17:57918626-57918698	0	0	0	1
XLOC_009209	CA4	chr17:58227301-58236906	0	0	0	1
XLOC_009220	MIR548W	chr17:60778674-61505067	0	0	0	1
XLOC_009238	MIR634	chr17:64298925-64806862	0	0	0	1
XLOC_009239	CACNG5	chr17:64873390-64881395	0	0	0	1
XLOC_009240	CACNG4	chr17:64960979-65029518	0	0	0	1
XLOC_009241	CACNG1	chr17:65040651-65052911	0	0	0	1
XLOC_009244	SNORA38B	chr17:65714060-65740266	0	0	0	1
XLOC_009252	MIR4524B	chr17:67074846-67138015	0	0	0	1
XLOC_009254	KCNJ16	chr17:68071365-68131746	0	0	0	1
XLOC_009255	KCNJ2	chr17:68165675-68176183	0	0	0	1
XLOC_009256	SOX9	chr17:70117160-70122560	0	0	0	1
XLOC_009260	LOC400620	chr17:71745408-71824676	0	0	0	1
XLOC_009264	KIF19	chr17:72322350-72351959	0	0	0	1
XLOC_009265	GPR142	chr17:72363644-72368739	0	0	0	1
XLOC_009267	CD300A	chr17:72462521-72480937	0	0	0	1
XLOC_009268	C17orf77	chr17:72576110-72590348	0	0	0	1
XLOC_009282	MIR3678	chr17:73402149-73402243	0	0	0	1
XLOC_009295	RNF157-AS1	chr17:74132414-74236390	0	0	0	1
XLOC_009301	SNORD1C	chr17:74553845-74561430	0	0	0	1
XLOC_009302	SNORD1B	chr17:74553845-74561430	0	0	0	1
XLOC_009303	SNORD1A	chr17:74553845-74561430	0	0	0	1
XLOC_009310	LOC100507351	chr17:75543022-75561103	0	0	0	1
XLOC_009313	C17orf99	chr17:76142433-76162364	0	0	0	1
XLOC_009317	TMEM235	chr17:76227390-76237068	0	0	0	1
XLOC_009321	ENPP7	chr17:77704881-77716021	0	0	0	1
XLOC_009329	MIR4730	chr17:78234659-78411884	0	0	0	1
XLOC_009333	MIR3065	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_009343	GCGR	chr17:79762009-79771889	0	0	0	1
XLOC_009353	UTS2R	chr17:80332200-80333370	0	0	0	1
XLOC_009370	MIR3183	chr17:906757-1090616	0	0	0	1
XLOC_009383	RTN4RL1	chr17:1837970-1928178	0	0	0	1
XLOC_009384	MIR132	chr17:1953201-1953302	0	0	0	1
XLOC_009385	MIR212	chr17:1953564-1953674	0	0	0	1
XLOC_009388	SNORD91B	chr17:2207247-2240678	0	0	0	1
XLOC_009389	SNORD91A	chr17:2207247-2240678	0	0	0	1
XLOC_009394	MIR1253	chr17:2651371-2651476	0	0	0	1
XLOC_009395	OR1D5	chr17:2965962-2966901	0	0	0	1
XLOC_009396	OR1D2	chr17:2995351-2996290	0	0	0	1
XLOC_009397	OR1G1	chr17:3029903-3030845	0	0	0	1
XLOC_009398	OR3A2	chr17:3181183-3182268	0	0	0	1
XLOC_009399	OR3A1	chr17:3194928-3195876	0	0	0	1
XLOC_009400	OR1E1	chr17:3300759-3301704	0	0	0	1
XLOC_009401	OR1E2	chr17:3336163-3337135	0	0	0	1
XLOC_009402	SPATA22	chr17:3343305-3375142	0	0	0	1
XLOC_009409	P2RX1	chr17:3799884-3819960	0	0	0	1
XLOC_009415	GGT6	chr17:4460221-4463876	0	0	0	1
XLOC_009416	ALOX15	chr17:4534213-4544960	0	0	0	1
XLOC_009428	ZNF594	chr17:5082830-5095178	0	0	0	1
XLOC_009429	SCIMP	chr17:5095378-5138931	0	0	0	1
XLOC_009440	MIR4520A	chr17:6558758-6558828	0	0	0	1
XLOC_009445	MIR195	chr17:6915735-6922973	0	0	0	1
XLOC_009446	MIR497	chr17:6915735-6922973	0	0	0	1
XLOC_009448	CLEC10A	chr17:6977855-6983600	0	0	0	1

XLOC_009449	ASGR2	chr17:7004640-7018130	0	0	0	1
XLOC_009452	MIR324	chr17:7093209-7128586	0	0	0	1
XLOC_009488	SPDYE4	chr17:8656423-8661877	0	0	0	1
XLOC_009489	MFSD6L	chr17:8700427-8702667	0	0	0	1
XLOC_009490	PIK3R6	chr17:8706054-8770994	0	0	0	1
XLOC_009493	DHR57C	chr17:9674750-9694614	0	0	0	1
XLOC_009496	MYH13	chr17:10204182-10276322	0	0	0	1
XLOC_009497	MYH8	chr17:10293641-10325267	0	0	0	1
XLOC_009498	MYH4	chr17:10346607-10372876	0	0	0	1
XLOC_009500	MYH2	chr17:10424464-10453017	0	0	0	1
XLOC_009506	PIRT	chr17:10725791-10741418	0	0	0	1
XLOC_009509	HS3ST3A1	chr17:13399005-13505244	0	0	0	1
XLOC_009511	CDRT15	chr17:14139172-14140150	0	0	0	1
XLOC_009513	MIR4731	chr17:15133095-15168644	0	0	0	1
XLOC_009525	TNFRSF13B	chr17:16842397-16875402	0	0	0	1
XLOC_009533	MIR33B	chr17:17584786-17740325	0	0	0	1
XLOC_009540	FAM106A	chr17:18427879-18430160	0	0	0	1
XLOC_009546	EPN2-AS1	chr17:19140689-19240028	0	0	0	1
XLOC_009548	MIR1180	chr17:19240866-19290532	0	0	0	1
XLOC_009550	SLC47A2	chr17:19581627-19620043	0	0	0	1
XLOC_009551	ALDH3A1	chr17:19641297-19651746	0	0	0	1
XLOC_009554	LGALS9B	chr17:20353175-20370848	0	0	0	1
XLOC_009555	KRT16P3	chr17:20404826-20407811	0	0	0	1
XLOC_009556	CCDC144NL	chr17:20766707-20799453	0	0	0	1
XLOC_009561	MIR4522	chr17:25620935-25621022	0	0	0	1
XLOC_009564	KRT18P55	chr17:26603011-26634408	0	0	0	1
XLOC_009567	SEBOX	chr17:26691289-26692265	0	0	0	1
XLOC_009581	MIR451A	chr17:27188386-27188458	0	0	0	1
XLOC_009582	MIR144	chr17:27188550-27188636	0	0	0	1
XLOC_009583	MIR4732	chr17:27188672-27188748	0	0	0	1
XLOC_009587	SEZ6	chr17:27281946-27333081	0	0	0	1
XLOC_009594	MIR3184	chr17:28443824-28513493	0	0	0	1
XLOC_009597	TMIGD1	chr17:28643365-28661065	0	0	0	1
XLOC_009600	MIR4733	chr17:29421367-29421443	0	0	0	1
XLOC_009609	ASIC2	chr17:31340105-32483825	0	0	0	1
XLOC_009610	AA06	chr17:31340105-32483825	0	0	0	1
XLOC_009611	CCL1	chr17:32687398-32690252	0	0	0	1
XLOC_009612	C17orf102	chr17:32901141-32906388	0	0	0	1
XLOC_009616	SLC35G3	chr17:33519538-33521412	0	0	0	1
XLOC_009617	SLFN11	chr17:33677328-33700720	0	0	0	1
XLOC_009618	SLFN12	chr17:33738080-33759543	0	0	0	1
XLOC_009620	SLFN12L	chr17:33801941-33814758	0	0	0	1
XLOC_009621	SLFN14	chr17:33875143-33885110	0	0	0	1
XLOC_009623	GAS2L2	chr17:34071529-34079897	0	0	0	1
XLOC_009624	MMP28	chr17:34092875-34122640	0	0	0	1
XLOC_009625	C17orf66	chr17:34181959-34195895	0	0	0	1
XLOC_009628	LYZL6	chr17:34261522-34270703	0	0	0	1
XLOC_009629	CCL16	chr17:34303534-34308523	0	0	0	1
XLOC_009630	CCL14,CCL15	chr17:34310691-34329084	0	0	0	1
XLOC_009631	CCL23	chr17:34340096-34345005	0	0	0	1
XLOC_009633	TBC1D3B	chr17:34493060-34503988	0	0	0	1
XLOC_009636	CCL3L1	chr17:34623841-34625730	0	0	0	1
XLOC_009637	TBC1D3H	chr17:34745935-34757050	0	0	0	1
XLOC_009643	HNF1B	chr17:36046433-36105096	0	0	0	1
XLOC_009644	LOC284100	chr17:36202572-36244363	0	0	0	1
XLOC_009645	TBC1D3	chr17:36337527-36348666	0	0	0	1
XLOC_009650	MIR4734	chr17:36858514-36858584	0	0	0	1
XLOC_009657	FBXO47	chr17:37092684-37123655	0	0	0	1
XLOC_009659	ARL5C	chr17:37313146-37322414	0	0	0	1
XLOC_009675	CCR7	chr17:38710021-38721736	0	0	0	1
XLOC_009678	KRT24	chr17:38854242-38860002	0	0	0	1
XLOC_009679	KRT25	chr17:38904272-38911584	0	0	0	1
XLOC_009680	KRT26	chr17:38922489-38928411	0	0	0	1
XLOC_009681	KRT27	chr17:38933059-38938786	0	0	0	1
XLOC_009682	KRT28	chr17:38948447-38956211	0	0	0	1
XLOC_009684	KRT12	chr17:39017429-39023462	0	0	0	1
XLOC_009685	KRT20	chr17:39032140-39041495	0	0	0	1
XLOC_009686	KRT23	chr17:39078951-39093836	0	0	0	1
XLOC_009687	KRT39	chr17:39114668-39123144	0	0	0	1
XLOC_009688	KRT40	chr17:39133967-39143387	0	0	0	1
XLOC_009691	KRTAP3-1	chr17:39164773-39165366	0	0	0	1
XLOC_009692	KRTAP1-5	chr17:39182278-39183454	0	0	0	1
XLOC_009693	KRTAP1-4	chr17:39185928-39186377	0	0	0	1
XLOC_009694	KRTAP1-3	chr17:39190136-39191107	0	0	0	1
XLOC_009695	KRTAP1-1	chr17:39196810-39197713	0	0	0	1
XLOC_009702	KRTAP4-12	chr17:39279344-39280419	0	0	0	1
XLOC_009704	KRTAP4-5	chr17:39305175-39306054	0	0	0	1
XLOC_009705	KRTAP4-4	chr17:39315905-39316983	0	0	0	1
XLOC_009706	KRTAP4-3	chr17:39323482-39324424	0	0	0	1

XLOC_009707	KRTAP4-2	chr17:39333697-39334460	0	0	0	1
XLOC_009708	KRTAP4-1	chr17:39340351-39341147	0	0	0	1
XLOC_009709	KRTAP29-1	chr17:39458077-39459103	0	0	0	1
XLOC_009710	KRTAP16-1	chr17:39463951-39465505	0	0	0	1
XLOC_009711	KRTAP17-1	chr17:39471168-39471947	0	0	0	1
XLOC_009712	KRT33A	chr17:39502344-39507064	0	0	0	1
XLOC_009713	KRT33B	chr17:39519745-39526052	0	0	0	1
XLOC_009715	KRT31	chr17:39549976-39553844	0	0	0	1
XLOC_009716	KRT37	chr17:39576808-39580822	0	0	0	1
XLOC_009717	KRT38	chr17:39592620-39597596	0	0	0	1
XLOC_009718	KRT32	chr17:39615764-39623638	0	0	0	1
XLOC_009719	KRT35	chr17:39632940-39637392	0	0	0	1
XLOC_009720	KRT36	chr17:39642387-39646116	0	0	0	1
XLOC_009721	KRT13	chr17:39657232-39661865	0	0	0	1
XLOC_009724	LOC147093	chr17:39705857-39710747	0	0	0	1
XLOC_009725	KRT9	chr17:39722093-39728310	0	0	0	1
XLOC_009726	KRT14	chr17:39738530-39743147	0	0	0	1
XLOC_009727	KRT16	chr17:39766030-39769079	0	0	0	1
XLOC_009729	KRT42P	chr17:39782578-39796451	0	0	0	1
XLOC_009730	HAP1	chr17:39878890-39890898	0	0	0	1
XLOC_009741	KCNH4	chr17:40308909-40333296	0	0	0	1
XLOC_009785	C1QL1	chr17:43037060-43045644	0	0	0	1
XLOC_009794	LOC644172	chr17:43677490-43679748	0	0	0	1
XLOC_009795	MAPT-AS1	chr17:43920721-44105699	0	0	0	1
XLOC_009809	MIR152	chr17:46103532-46115152	0	0	0	1
XLOC_009811	SKAP1	chr17:46210801-46507594	0	0	0	1
XLOC_009812	MIR1203	chr17:46210801-46507594	0	0	0	1
XLOC_009813	HOXB1	chr17:46606806-46608272	0	0	0	1
XLOC_009817	MIR10A	chr17:46657199-46657309	0	0	0	1
XLOC_009823	MIR196A1	chr17:46709851-46709921	0	0	0	1
XLOC_009824	PRAC	chr17:46799081-46799882	0	0	0	1
XLOC_009825	MIR3185	chr17:46800541-46802119	0	0	0	1
XLOC_009829	GIP	chr17:47035917-47045955	0	0	0	1
XLOC_009830	GNGT2	chr17:47283595-47300587	0	0	0	1
XLOC_009831	PHOSPHO1	chr17:47300731-47308128	0	0	0	1
XLOC_009837	TAC4	chr17:47915670-47926199	0	0	0	1
XLOC_009838	DLX3	chr17:48067368-48072588	0	0	0	1
XLOC_009842	HILS1	chr17:48243365-48253293	0	0	0	1
XLOC_009849	LINC00483	chr17:48838394-48844876	0	0	0	1
XLOC_009853	CA10	chr17:49707673-50237377	0	0	0	1
XLOC_009856	TMEM100	chr17:53796987-53809482	0	0	0	1
XLOC_009858	MTVR2	chr17:54961462-54962274	0	0	0	1
XLOC_009866	MPO	chr17:56347216-56358296	0	0	0	1
XLOC_009867	BZRAP1	chr17:56378587-56494931	0	0	0	1
XLOC_009868	MIR142	chr17:56378587-56494931	0	0	0	1
XLOC_009869	MIR4736	chr17:56378587-56494931	0	0	0	1
XLOC_009879	MIR454	chr17:57187307-57232800	0	0	0	1
XLOC_009880	MIR301A	chr17:57187307-57232800	0	0	0	1
XLOC_009885	MIR4737	chr17:58120385-58120466	0	0	0	1
XLOC_009896	TBC1D3P2	chr17:60342066-60353016	0	0	0	1
XLOC_009904	CSH2	chr17:61949371-61951089	0	0	0	1
XLOC_009905	GH2	chr17:61957571-61959302	0	0	0	1
XLOC_009906	CSH1	chr17:61972267-61974021	0	0	0	1
XLOC_009907	CSHL1	chr17:61986964-61988618	0	0	0	1
XLOC_009908	GH1	chr17:61994562-61996198	0	0	0	1
XLOC_009917	MIR3064	chr17:62494373-62502484	0	0	0	1
XLOC_009927	APOH	chr17:64208146-64225556	0	0	0	1
XLOC_009933	MIR635	chr17:66417421-66453653	0	0	0	1
XLOC_009935	ABCA8	chr17:66863430-66951533	0	0	0	1
XLOC_009938	MIR4524A	chr17:67074846-67138015	0	0	0	1
XLOC_009940	KCNJ2-AS1	chr17:68163101-68165543	0	0	0	1
XLOC_009948	LINC00469	chr17:71745408-71824676	0	0	0	1
XLOC_009950	BTBD17	chr17:72352554-72357958	0	0	0	1
XLOC_009951	CD300LB	chr17:72517312-72527613	0	0	0	1
XLOC_009953	CD300LD	chr17:72576110-72590348	0	0	0	1
XLOC_009955	CD300LF	chr17:72667255-72743474	0	0	0	1
XLOC_009959	FADS6	chr17:72873472-72889705	0	0	0	1
XLOC_009974	MIR4738	chr17:73780601-73780688	0	0	0	1
XLOC_009985	FOXJ1	chr17:74132414-74236390	0	0	0	1
XLOC_009993	ST6GALNAC1	chr17:74620844-74639894	0	0	0	1
XLOC_009997	MIR4316	chr17:75277491-75496678	0	0	0	1
XLOC_010013	MIR4739	chr17:77680984-77681058	0	0	0	1
XLOC_010020	NPTX1	chr17:78440632-78450404	0	0	0	1
XLOC_010023	MIR657	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_010024	MIR338	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_010025	MIR1250	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_010030	TMEM105	chr17:79285071-79304474	0	0	0	1
XLOC_010031	LOC100130370	chr17:79349698-79359160	0	0	0	1
XLOC_010032	MIR4740	chr17:79373539-79433358	0	0	0	1

XLOC_010033	MIR3186	chr17:79373539-79433358	0	0	0	1
XLOC_010090	CETN1	chr18:580368-581524	0	0	0	1
XLOC_010093	ADCYAP1	chr18:904943-912173	0	0	0	1
XLOC_010101	DLGAP1-AS3	chr18:3496029-4455266	0	0	0	1
XLOC_010102	DLGAP1-AS5	chr18:3496029-4455266	0	0	0	1
XLOC_010104	LOC645355	chr18:5748817-5795900	0	0	0	1
XLOC_010105	MIR3976	chr18:5840693-5840832	0	0	0	1
XLOC_010106	LOC100130480	chr18:6511414-6590652	0	0	0	1
XLOC_010107	ARHGAP28	chr18:6834431-6915712	0	0	0	1
XLOC_010108	LRRC30	chr18:7231136-7232042	0	0	0	1
XLOC_010116	RAB31	chr18:9708227-9862553	0	0	0	1
XLOC_010117	TXNDC2	chr18:9885722-9888156	0	0	0	1
XLOC_010119	APCDD1	chr18:10454624-10488698	0	0	0	1
XLOC_010124	C18orf61	chr18:12200777-12224709	0	0	0	1
XLOC_010125	CIDEA	chr18:12254317-12277594	0	0	0	1
XLOC_010132	MIR5190	chr18:13218728-13652753	0	0	0	1
XLOC_010133	MIR4526	chr18:13218728-13652753	0	0	0	1
XLOC_010135	MC5R	chr18:13825542-13826861	0	0	0	1
XLOC_010138	ANKRD30B	chr18:14748238-14852737	0	0	0	1
XLOC_010139	MIR3156-2	chr18:14748238-14852737	0	0	0	1
XLOC_010142	MIR320C1	chr18:19230857-19284766	0	0	0	1
XLOC_010149	LAMA3	chr18:21269561-21535029	0	0	0	1
XLOC_010152	MIR320C2	chr18:21742010-21977833	0	0	0	1
XLOC_010155	LOC729950	chr18:22208145-22242162	0	0	0	1
XLOC_010156	PSMA8	chr18:23713815-23773319	0	0	0	1
XLOC_010159	MIR302F	chr18:27878875-27878926	0	0	0	1
XLOC_010160	DSG1	chr18:28898051-28937393	0	0	0	1
XLOC_010161	DSG4	chr18:28956739-28993880	0	0	0	1
XLOC_010164	TTR	chr18:29171729-29178986	0	0	0	1
XLOC_010168	WBP11P1	chr18:30091625-30094597	0	0	0	1
XLOC_010169	ASXL3	chr18:31158540-31327399	0	0	0	1
XLOC_010170	DTNA	chr18:32073253-32471808	0	0	0	1
XLOC_010174	MIR3975	chr18:33171700-33171770	0	0	0	1
XLOC_010181	MIR4318	chr18:35237097-35237178	0	0	0	1
XLOC_010182	MIR5583-1	chr18:36786887-37331959	0	0	0	1
XLOC_010187	SLC14A1	chr18:43304091-43332485	0	0	0	1
XLOC_010188	SIGLEC15	chr18:43405544-43422521	0	0	0	1
XLOC_010194	MIR4743	chr18:46065426-46389586	0	0	0	1
XLOC_010195	MIR1539	chr18:47007547-47018935	0	0	0	1
XLOC_010199	MAPK4	chr18:48086483-48258196	0	0	0	1
XLOC_010203	LOC100287225	chr18:48918411-49088839	0	0	0	1
XLOC_010204	DCC	chr18:49866541-51062273	0	0	0	1
XLOC_010207	DYNAP	chr18:52258389-52266724	0	0	0	1
XLOC_010209	MIR4529	chr18:52889561-53303188	0	0	0	1
XLOC_010211	BOD1L2	chr18:54814292-54817639	0	0	0	1
XLOC_010216	MIR122	chr18:56118305-56118390	0	0	0	1
XLOC_010219	OACYLP	chr18:56702970-56720446	0	0	0	1
XLOC_010221	GRP	chr18:56887399-56898002	0	0	0	1
XLOC_010228	SERPINB5	chr18:61144143-61172318	0	0	0	1
XLOC_010229	SERPINB12	chr18:61223392-61234244	0	0	0	1
XLOC_010230	SERPINB13	chr18:61254533-61266433	0	0	0	1
XLOC_010231	SERPINB11	chr18:61370193-61391122	0	0	0	1
XLOC_010234	SERPINB10	chr18:61582744-61602476	0	0	0	1
XLOC_010237	LOC284294	chr18:61747242-62090827	0	0	0	1
XLOC_010238	CDH7	chr18:63417487-63548175	0	0	0	1
XLOC_010239	MIR5011	chr18:64748820-64748923	0	0	0	1
XLOC_010240	LOC643542	chr18:65173818-65566856	0	0	0	1
XLOC_010244	LOC100505817	chr18:70992175-71017124	0	0	0	1
XLOC_010246	C18orf63	chr18:71983109-72026422	0	0	0	1
XLOC_010251	LOC339298	chr18:73834952-73857210	0	0	0	1
XLOC_010255	GALR1	chr18:74962007-74982096	0	0	0	1
XLOC_010256	SALL3	chr18:76740274-76758969	0	0	0	1
XLOC_010260	KCNG2	chr18:77623667-77659816	0	0	0	1
XLOC_010266	COLEC12	chr18:319354-500729	0	0	0	1
XLOC_010276	DLGAP1	chr18:3496029-4455266	0	0	0	1
XLOC_010280	EPB41L3	chr18:5392387-5543986	0	0	0	1
XLOC_010281	TMEM200C	chr18:5890183-5892103	0	0	0	1
XLOC_010282	L3MBTL4	chr18:5954704-6414910	0	0	0	1
XLOC_010283	MIR4317	chr18:5954704-6414910	0	0	0	1
XLOC_010284	LINC00668	chr18:6925472-6929868	0	0	0	1
XLOC_010286	LOC100192426	chr18:7567313-8406859	0	0	0	1
XLOC_010288	PIEZO2	chr18:10670243-11148761	0	0	0	1
XLOC_010294	LOC100288122	chr18:13218728-13652753	0	0	0	1
XLOC_010298	CXADRP3	chr18:14477953-14498705	0	0	0	1
XLOC_010299	POTEC	chr18:14511736-14543599	0	0	0	1
XLOC_010300	LOC644669	chr18:15313554-15325918	0	0	0	1
XLOC_010304	MIR133A1	chr18:19321544-19450912	0	0	0	1
XLOC_010305	MIR1-2	chr18:19321544-19450912	0	0	0	1
XLOC_010306	CTAGE1	chr18:19993563-19997878	0	0	0	1

XLOC_010309	ANKRD29	chr18:21179977-21242849	0	0	0	1
XLOC_010314	LOC728606	chr18:24267584-24283602	0	0	0	1
XLOC_010316	CHST9	chr18:24432007-24765302	0	0	0	1
XLOC_010319	DSC2	chr18:28645941-28682388	0	0	0	1
XLOC_010320	DSC1	chr18:28709213-28742819	0	0	0	1
XLOC_010323	SLC25A52	chr18:29339658-29340843	0	0	0	1
XLOC_010327	CCDC178	chr18:30517365-31020685	0	0	0	1
XLOC_010328	NOL4	chr18:31431063-31803515	0	0	0	1
XLOC_010333	MIR187	chr18:33484780-33484889	0	0	0	1
XLOC_010337	CELF4	chr18:34823007-35146000	0	0	0	1
XLOC_010339	MIR5583-2	chr18:36786887-37331959	0	0	0	1
XLOC_010340	KC6	chr18:39060235-39100561	0	0	0	1
XLOC_010341	RIT2	chr18:40323182-40695657	0	0	0	1
XLOC_010342	SYT4	chr18:40847856-40857615	0	0	0	1
XLOC_010343	MIR4319	chr18:42260137-42648475	0	0	0	1
XLOC_010347	LOXHD1	chr18:44056934-44236996	0	0	0	1
XLOC_010350	TCEB3CL2	chr18:44526786-44628614	0	0	0	1
XLOC_010351	TCEB3CL2	chr18:44526786-44628614	0	0	0	1
XLOC_010352	TCEB3C	chr18:44526786-44628614	0	0	0	1
XLOC_010353	TCEB3B	chr18:44526786-44628614	0	0	0	1
XLOC_010357	ZBTB7C	chr18:45553638-45663680	0	0	0	1
XLOC_010360	MIR4744	chr18:46570171-46987079	0	0	0	1
XLOC_010363	SNORD58A	chr18:47007547-47018935	0	0	0	1
XLOC_010366	MIR4320	chr18:47349155-47721451	0	0	0	1
XLOC_010374	STARD6	chr18:51851061-51880943	0	0	0	1
XLOC_010375	CCDC68	chr18:52568739-52626739	0	0	0	1
XLOC_010377	LOC100505474	chr18:53750586-53804767	0	0	0	1
XLOC_010383	MIR3591	chr18:56118305-56118390	0	0	0	1
XLOC_010385	RAX	chr18:56934266-56940625	0	0	0	1
XLOC_010386	CPLX4	chr18:56962635-56985881	0	0	0	1
XLOC_010389	MC4R	chr18:58038563-58040001	0	0	0	1
XLOC_010395	SERPINB4	chr18:61304492-61311502	0	0	0	1
XLOC_010396	SERPINB3	chr18:61322430-61329197	0	0	0	1
XLOC_010397	LINC00305	chr18:61747242-62090827	0	0	0	1
XLOC_010398	LOC400654	chr18:61747242-62090827	0	0	0	1
XLOC_010399	CDH19	chr18:64168423-64271375	0	0	0	1
XLOC_010404	LOC100505776	chr18:69187199-69246192	0	0	0	1
XLOC_010405	CBLN2	chr18:70203914-70211723	0	0	0	1
XLOC_010406	NETO1	chr18:70409548-70534810	0	0	0	1
XLOC_010407	LOC400655	chr18:70821292-70931733	0	0	0	1
XLOC_010410	FAM69C	chr18:72102962-72124503	0	0	0	1
XLOC_010413	C18orf62	chr18:73121826-73139589	0	0	0	1
XLOC_010415	LOC100131655	chr18:74506687-74534251	0	0	0	1
XLOC_010420	OR4F17	chr19:110678-111596	0	0	0	1
XLOC_010427	FGF22	chr19:639925-643604	0	0	0	1
XLOC_010429	PALM	chr19:708952-748330	0	0	0	1
XLOC_010432	MIR4745	chr19:797391-812327	0	0	0	1
XLOC_010433	MIR3187	chr19:812487-821952	0	0	0	1
XLOC_010438	KISS1R	chr19:917341-921015	0	0	0	1
XLOC_010441	GRIN3B	chr19:1000436-1021141	0	0	0	1
XLOC_010458	PLK5	chr19:1524072-1535455	0	0	0	1
XLOC_010459	ONECUT3	chr19:1753661-1775444	0	0	0	1
XLOC_010486	GIPC3	chr19:3585568-3593539	0	0	0	1
XLOC_010491	NMRK2	chr19:3933100-3942414	0	0	0	1
XLOC_010501	MIR4746	chr19:4445002-4457791	0	0	0	1
XLOC_010506	MIR7-3	chr19:4769116-4772568	0	0	0	1
XLOC_010509	MIR4747	chr19:4909509-4962165	0	0	0	1
XLOC_010511	ZNRF4	chr19:5455425-5456867	0	0	0	1
XLOC_010515	CATSPERD	chr19:5720687-5778742	0	0	0	1
XLOC_010528	MBD3L5	chr19:7030593-7033022	0	0	0	1
XLOC_010529	MBD3L2	chr19:7049350-7051746	0	0	0	1
XLOC_010539	RETN	chr19:7733971-7735340	0	0	0	1
XLOC_010549	CCL25	chr19:8117645-8127547	0	0	0	1
XLOC_010556	OR2Z1	chr19:8841390-8842335	0	0	0	1
XLOC_010557	MBD3L1	chr19:8953268-8954016	0	0	0	1
XLOC_010558	OR1M1	chr19:9203920-9204862	0	0	0	1
XLOC_010561	OR7E24	chr19:9361719-9362739	0	0	0	1
XLOC_010566	RDH8	chr19:10123924-10132954	0	0	0	1
XLOC_010567	C3P1	chr19:10152031-10184813	0	0	0	1
XLOC_010570	SNORD105	chr19:10216898-10230599	0	0	0	1
XLOC_010571	SNORD105B	chr19:10216898-10230599	0	0	0	1
XLOC_010572	MIR4322	chr19:10332108-10341948	0	0	0	1
XLOC_010579	MIR1238	chr19:10654646-10676702	0	0	0	1
XLOC_010584	MIR638	chr19:10828728-10942586	0	0	0	1
XLOC_010585	MIR4748	chr19:10828728-10942586	0	0	0	1
XLOC_010592	TSPAN16	chr19:11406823-11450344	0	0	0	1
XLOC_010613	BEST2	chr19:12863406-12869271	0	0	0	1
XLOC_010628	MIR181C	chr19:13985512-13985622	0	0	0	1
XLOC_010642	OR7C2	chr19:15052300-15053260	0	0	0	1

XLOC_010643	CCDC105	chr19:15121538-15134083	0	0	0	1
XLOC_010644	CASP14	chr19:15160290-15169103	0	0	0	1
XLOC_010645	OR111	chr19:15197876-15198944	0	0	0	1
XLOC_010647	MIR1470	chr19:15532317-15560762	0	0	0	1
XLOC_010648	CYP4F22	chr19:15619335-15663128	0	0	0	1
XLOC_010649	CYP4F8	chr19:15726028-15740447	0	0	0	1
XLOC_010651	CYP4F12	chr19:15783827-15807984	0	0	0	1
XLOC_010652	OR10H2	chr19:15838833-15839862	0	0	0	1
XLOC_010653	OR10H3	chr19:15852202-15853153	0	0	0	1
XLOC_010654	OR10H5	chr19:15904858-15905806	0	0	0	1
XLOC_010656	OR10H4	chr19:16059817-16060768	0	0	0	1
XLOC_010657	LINC00661	chr19:16126443-16138272	0	0	0	1
XLOC_010658	FLJ25328	chr19:16144522-16152918	0	0	0	1
XLOC_010669	F2RL3	chr19:16999825-17002830	0	0	0	1
XLOC_010685	B3GNT3	chr19:17905918-17924385	0	0	0	1
XLOC_010688	SLC5A5	chr19:17982781-18005983	0	0	0	1
XLOC_010696	MIR3188	chr19:18392886-18392971	0	0	0	1
XLOC_010699	MIR3189	chr19:18496967-18499986	0	0	0	1
XLOC_010712	NCAN	chr19:19322781-19363061	0	0	0	1
XLOC_010732	ZNF257	chr19:22235265-22273903	0	0	0	1
XLOC_010733	ZNF729	chr19:22469251-22499978	0	0	0	1
XLOC_010734	LOC440518	chr19:22779058-22786352	0	0	0	1
XLOC_010737	ZNF726	chr19:24097683-24116769	0	0	0	1
XLOC_010739	LOC148145	chr19:29456037-29460055	0	0	0	1
XLOC_010740	LOC100505835	chr19:29493461-29504862	0	0	0	1
XLOC_010741	VSTM2B	chr19:30017490-30055226	0	0	0	1
XLOC_010746	ZNF536	chr19:30863327-31048965	0	0	0	1
XLOC_010747	DKFZp566F0947	chr19:31640782-31641311	0	0	0	1
XLOC_010748	THEG5	chr19:32083186-32083945	0	0	0	1
XLOC_010761	CHST8	chr19:34112860-34264414	0	0	0	1
XLOC_010769	SCGB2B3P	chr19:35136777-35136957	0	0	0	1
XLOC_010775	HPN	chr19:35531409-35597208	0	0	0	1
XLOC_010783	MAG	chr19:35782988-35804709	0	0	0	1
XLOC_010785	FFAR1	chr19:35842444-35843367	0	0	0	1
XLOC_010786	FFAR3	chr19:35849487-35851389	0	0	0	1
XLOC_010787	LOC100128682	chr19:35896508-35907742	0	0	0	1
XLOC_010788	FFAR2	chr19:35940616-35942669	0	0	0	1
XLOC_010802	KIRREL2	chr19:36347809-36358048	0	0	0	1
XLOC_010812	LOC100134317	chr19:36802244-36803570	0	0	0	1
XLOC_010813	LOC644189	chr19:36912075-36913799	0	0	0	1
XLOC_010824	ZNF570	chr19:37959981-37976242	0	0	0	1
XLOC_010827	LOC644554	chr19:38308050-38345836	0	0	0	1
XLOC_010839	LGALS7B	chr19:39279849-39282394	0	0	0	1
XLOC_010845	IFNL2	chr19:39759156-39760732	0	0	0	1
XLOC_010846	IFNL1	chr19:39786964-39789312	0	0	0	1
XLOC_010854	SELV	chr19:40005752-40011326	0	0	0	1
XLOC_010855	LGALS13	chr19:40093168-40098114	0	0	0	1
XLOC_010857	LGALS16	chr19:40146557-40151287	0	0	0	1
XLOC_010858	LGALS17A	chr19:40170013-40177013	0	0	0	1
XLOC_010859	LGALS14	chr19:40194945-40200088	0	0	0	1
XLOC_010860	LEUTX	chr19:40267233-40276775	0	0	0	1
XLOC_010871	CYP2G1P	chr19:41396730-41406413	0	0	0	1
XLOC_010872	CYP2B7P1	chr19:41430169-41456565	0	0	0	1
XLOC_010873	CYP2B6	chr19:41497203-41524301	0	0	0	1
XLOC_010874	CYP2A13	chr19:41594355-41602100	0	0	0	1
XLOC_010876	CYP2S1	chr19:41699114-41713444	0	0	0	1
XLOC_010882	C19orf69	chr19:41949062-41950670	0	0	0	1
XLOC_010883	CEACAM21	chr19:42082530-42093197	0	0	0	1
XLOC_010884	CEACAM5	chr19:42212529-42234437	0	0	0	1
XLOC_010885	CEACAM6	chr19:42259397-42276113	0	0	0	1
XLOC_010886	CEACAM3	chr19:42300533-42315591	0	0	0	1
XLOC_010887	DMRTC2	chr19:42349085-42356397	0	0	0	1
XLOC_010899	LOC100289650	chr19:43326014-43331030	0	0	0	1
XLOC_010900	PRG1	chr19:43853207-43853700	0	0	0	1
XLOC_010901	CD177	chr19:43857824-43867480	0	0	0	1
XLOC_010902	TEX101	chr19:43892762-43922767	0	0	0	1
XLOC_010921	IGSF23	chr19:45116939-45140081	0	0	0	1
XLOC_010924	CEACAM16	chr19:45202420-45213986	0	0	0	1
XLOC_010926	CBLC	chr19:45281125-45303903	0	0	0	1
XLOC_010933	APOC2,APOC4	chr19:45445494-45452822	0	0	0	1
XLOC_010948	MIR642A	chr19:46171501-46185717	0	0	0	1
XLOC_010953	MIR769	chr19:46522189-46522307	0	0	0	1
XLOC_010955	DKFZp434J0226	chr19:46713498-46718094	0	0	0	1
XLOC_010956	IGFL1	chr19:46720994-46846690	0	0	0	1
XLOC_010965	MIR3190	chr19:47724078-47736023	0	0	0	1
XLOC_010978	SNAR-A13	chr19:48410934-48411056	0	0	0	1
XLOC_010979	SNAR-C2	chr19:48416307-48416427	0	0	0	1
XLOC_010980	SNAR-A2	chr19:48421685-48421807	0	0	0	1
XLOC_010981	SNAR-A8	chr19:48427035-48427156	0	0	0	1

XLOC_010982	SNAR-C5	chr19:48432074-48432194	0	0	0	1
XLOC_010983	SNAR-A2	chr19:48437437-48437559	0	0	0	1
XLOC_010984	SNAR-C4	chr19:48442797-48442917	0	0	0	1
XLOC_010985	SNAR-A13	chr19:48448178-48448300	0	0	0	1
XLOC_010986	SNAR-C3	chr19:48453552-48453671	0	0	0	1
XLOC_010987	SNAR-C5	chr19:48458938-48459058	0	0	0	1
XLOC_010988	ELSPBP1	chr19:48497907-48528410	0	0	0	1
XLOC_011009	CGB2	chr19:49535129-49536495	0	0	0	1
XLOC_011010	SNAR-G1	chr19:49540276-49540404	0	0	0	1
XLOC_011023	SNORD32A	chr19:49990810-49995564	0	0	0	1
XLOC_011025	SNORD34	chr19:49990810-49995564	0	0	0	1
XLOC_011028	SNORD35B	chr19:49999621-50002969	0	0	0	1
XLOC_011036	MIR5088	chr19:50180408-50191707	0	0	0	1
XLOC_011042	MIR4749	chr19:50341902-50363999	0	0	0	1
XLOC_011044	MIR4750	chr19:50380681-50392007	0	0	0	1
XLOC_011058	GPR32	chr19:51273720-51274989	0	0	0	1
XLOC_011061	KLK3	chr19:51358170-51364020	0	0	0	1
XLOC_011062	KLK2	chr19:51376688-51383823	0	0	0	1
XLOC_011064	SIGLEC7	chr19:51645557-51656783	0	0	0	1
XLOC_011065	SIGLEC17P	chr19:51670584-51676780	0	0	0	1
XLOC_011067	SIGLECL1	chr19:51760963-51772582	0	0	0	1
XLOC_011070	CEACAM18	chr19:51979837-51986611	0	0	0	1
XLOC_011072	MIR99B	chr19:52195864-52195934	0	0	0	1
XLOC_011073	MIRLET7E	chr19:52196038-52196117	0	0	0	1
XLOC_011074	MIR125A	chr19:52196506-52196592	0	0	0	1
XLOC_011076	FPR2	chr19:52264452-52273779	0	0	0	1
XLOC_011081	MIR643	chr19:52772823-52795976	0	0	0	1
XLOC_011086	ZNF534	chr19:52934666-52942699	0	0	0	1
XLOC_011093	ZNF818P	chr19:53716200-53719355	0	0	0	1
XLOC_011095	FAM90A27P	chr19:53785542-53787602	0	0	0	1
XLOC_011102	DPRX	chr19:54135309-54140263	0	0	0	1
XLOC_011103	MIR512-2	chr19:54169926-54170024	0	0	0	1
XLOC_011104	MIR512-2	chr19:54172410-54172508	0	0	0	1
XLOC_011105	MIR1323	chr19:54175221-54175294	0	0	0	1
XLOC_011106	MIR498	chr19:54177450-54177574	0	0	0	1
XLOC_011107	MIR520E	chr19:54178964-54179051	0	0	0	1
XLOC_011108	MIR515-2	chr19:54182256-54182339	0	0	0	1
XLOC_011109	MIR519E	chr19:54183193-54183277	0	0	0	1
XLOC_011110	MIR520F	chr19:54185412-54185499	0	0	0	1
XLOC_011111	MIR515-1	chr19:54188262-54188345	0	0	0	1
XLOC_011112	MIR519C	chr19:54189722-54189809	0	0	0	1
XLOC_011113	MIR1283-1	chr19:54191734-54191821	0	0	0	1
XLOC_011114	MIR520A	chr19:54194134-54194219	0	0	0	1
XLOC_011115	MIR526B	chr19:54197646-54197729	0	0	0	1
XLOC_011116	MIR519B	chr19:54198466-54198547	0	0	0	1
XLOC_011117	MIR525	chr19:54200786-54200871	0	0	0	1
XLOC_011118	MIR523	chr19:54201638-54201725	0	0	0	1
XLOC_011119	MIR518F	chr19:54203268-54203355	0	0	0	1
XLOC_011120	MIR520B	chr19:54204480-54204541	0	0	0	1
XLOC_011121	MIR518B	chr19:54205990-54206073	0	0	0	1
XLOC_011122	MIR526A1	chr19:54209505-54209590	0	0	0	1
XLOC_011123	MIR520C	chr19:54210706-54210793	0	0	0	1
XLOC_011124	MIR518C	chr19:54211988-54212089	0	0	0	1
XLOC_011125	MIR524	chr19:54214255-54214342	0	0	0	1
XLOC_011126	MIR517A	chr19:54215521-54215608	0	0	0	1
XLOC_011127	MIR519D	chr19:54216600-54216688	0	0	0	1
XLOC_011128	MIR521-2	chr19:54219847-54219934	0	0	0	1
XLOC_011129	MIR520D	chr19:54223349-54223436	0	0	0	1
XLOC_011130	MIR517B	chr19:54224329-54224396	0	0	0	1
XLOC_011131	MIR520G	chr19:54225419-54225509	0	0	0	1
XLOC_011132	MIR516B2	chr19:54228695-54228780	0	0	0	1
XLOC_011133	MIR526A2	chr19:54230175-54230240	0	0	0	1
XLOC_011134	MIR518E	chr19:54233091-54233179	0	0	0	1
XLOC_011135	MIR518A1	chr19:54234259-54234344	0	0	0	1
XLOC_011136	MIR518D	chr19:54238130-54238217	0	0	0	1
XLOC_011137	MIR516B1	chr19:54240098-54240188	0	0	0	1
XLOC_011138	MIR518A2	chr19:54242586-54242673	0	0	0	1
XLOC_011139	MIR517C	chr19:54244566-54244661	0	0	0	1
XLOC_011140	MIR520H	chr19:54245765-54245853	0	0	0	1
XLOC_011141	MIR521-1	chr19:54251889-54251976	0	0	0	1
XLOC_011142	MIR522	chr19:54254464-54254551	0	0	0	1
XLOC_011143	MIR519A1	chr19:54255650-54255735	0	0	0	1
XLOC_011144	MIR527	chr19:54257271-54257356	0	0	0	1
XLOC_011145	MIR516A1	chr19:54259994-54260084	0	0	0	1
XLOC_011146	MIR1283-2	chr19:54261485-54261572	0	0	0	1
XLOC_011147	MIR516A2	chr19:54264386-54264476	0	0	0	1
XLOC_011148	MIR519A2	chr19:54265597-54265684	0	0	0	1
XLOC_011149	MIR371A	chr19:54290928-54290996	0	0	0	1
XLOC_011150	MIR372	chr19:54291143-54291210	0	0	0	1

XLOC_011151	MIR373	chr19:54291958-54292027	0	0	0	1
XLOC_011162	MIR4752	chr19:54785963-54786035	0	0	0	1
XLOC_011163	TTYH1	chr19:54926604-54947899	0	0	0	1
XLOC_011166	KIR3DX1	chr19:55043908-55055195	0	0	0	1
XLOC_011167	LILRA2	chr19:55085256-55099027	0	0	0	1
XLOC_011168	LILRA1	chr19:55105040-55113687	0	0	0	1
XLOC_011170	LILRB4	chr19:55174123-55179846	0	0	0	1
XLOC_011171	LILRP2	chr19:55219600-55224887	0	0	0	1
XLOC_011172	KIR3DL3	chr19:55235983-55248003	0	0	0	1
XLOC_011173	KIR2DL3	chr19:55249973-55264504	0	0	0	1
XLOC_011174	KIR2DL1	chr19:55281264-55295778	0	0	0	1
XLOC_011175	KIR2DL4,LOC100287534	chr19:55304499-55325972	0	0	0	1
XLOC_011176	KIR3DL1	chr19:55327892-55342233	0	0	0	1
XLOC_011177	KIR2DS4	chr19:55344173-55360023	0	0	0	1
XLOC_011178	KIR3DL2	chr19:55361897-55378670	0	0	0	1
XLOC_011180	NCR1	chr19:55417507-55424439	0	0	0	1
XLOC_011181	NLRP2	chr19:55476651-55512510	0	0	0	1
XLOC_011199	NLRP8	chr19:56459197-56499995	0	0	0	1
XLOC_011200	NLRP5	chr19:56511091-56573174	0	0	0	1
XLOC_011202	GALP	chr19:56687388-56697144	0	0	0	1
XLOC_011206	LOC100128252	chr19:56989242-57006805	0	0	0	1
XLOC_011207	ZNF471	chr19:57019211-57040269	0	0	0	1
XLOC_011208	ZFP28	chr19:57050316-57068170	0	0	0	1
XLOC_011209	ZNF470	chr19:57078889-57094262	0	0	0	1
XLOC_011212	PEG3-AS1	chr19:57285922-57352097	0	0	0	1
XLOC_011213	MIMT1	chr19:57352269-57359922	0	0	0	1
XLOC_011229	ZNF530	chr19:58111252-58119637	0	0	0	1
XLOC_011230	ZNF134	chr19:58125829-58133636	0	0	0	1
XLOC_011232	ZSCAN4	chr19:58180302-58190520	0	0	0	1
XLOC_011239	ZSCAN1	chr19:58545433-58565999	0	0	0	1
XLOC_011240	ZNF135	chr19:58570606-58581110	0	0	0	1
XLOC_011247	LOC646862	chr19:58907456-58908446	0	0	0	1
XLOC_011256	FAM138A	chr19:76219-77690	0	0	0	1
XLOC_011260	THEG	chr19:362056-376013	0	0	0	1
XLOC_011293	MIR1227	chr19:2233154-2236328	0	0	0	1
XLOC_011307	C19orf77	chr19:3474404-3480540	0	0	0	1
XLOC_011316	ZFR2	chr19:3804021-3869027	0	0	0	1
XLOC_011320	SNORD37	chr19:3976053-3985461	0	0	0	1
XLOC_011336	ARRDC5	chr19:4890448-4902879	0	0	0	1
XLOC_011358	TUBB4A	chr19:6494329-6502330	0	0	0	1
XLOC_011359	CD70	chr19:6585849-6591163	0	0	0	1
XLOC_011366	MBD3L4	chr19:7037754-7040184	0	0	0	1
XLOC_011367	MBD3L3	chr19:7056215-7058645	0	0	0	1
XLOC_011374	CLEC4G	chr19:7793842-7797057	0	0	0	1
XLOC_011375	CD209	chr19:7804880-7812464	0	0	0	1
XLOC_011377	LOC388499	chr19:7943516-7945117	0	0	0	1
XLOC_011386	MIR4999	chr19:8439259-8469317	0	0	0	1
XLOC_011390	ADAMTS10	chr19:8645125-8675588	0	0	0	1
XLOC_011391	ACTL9	chr19:8807750-8809172	0	0	0	1
XLOC_011394	OR7G2	chr19:9212944-9213982	0	0	0	1
XLOC_011395	OR7G1	chr19:9225503-9226439	0	0	0	1
XLOC_011396	OR7G3	chr19:9236687-9237626	0	0	0	1
XLOC_011397	OR7D4	chr19:9324525-9325547	0	0	0	1
XLOC_011400	ZNF560	chr19:9577030-9609279	0	0	0	1
XLOC_011405	ZNF812	chr19:9800813-9811493	0	0	0	1
XLOC_011409	COL5A3	chr19:10070236-10121147	0	0	0	1
XLOC_011421	S1PR5	chr19:10623417-10628668	0	0	0	1
XLOC_011426	MIR199A1	chr19:10828728-10942586	0	0	0	1
XLOC_011458	SNORD41	chr19:12810007-12834810	0	0	0	1
XLOC_011464	KLF1	chr19:12995236-12998017	0	0	0	1
XLOC_011473	MIR27A	chr19:13947253-13947331	0	0	0	1
XLOC_011474	MIR23A	chr19:13947400-13947473	0	0	0	1
XLOC_011488	EMR3	chr19:14730050-14785730	0	0	0	1
XLOC_011490	OR7C1	chr19:14909985-14910948	0	0	0	1
XLOC_011491	OR7A5	chr19:14937138-14939276	0	0	0	1
XLOC_011492	OR7A10	chr19:14951759-14952689	0	0	0	1
XLOC_011493	OR7A17	chr19:14991237-14992167	0	0	0	1
XLOC_011502	RASAL3	chr19:15562437-15575382	0	0	0	1
XLOC_011503	PGLYRP2	chr19:15579456-15590315	0	0	0	1
XLOC_011504	CYP4F24P	chr19:15870143-15890798	0	0	0	1
XLOC_011505	OR10H1	chr19:15917816-15918936	0	0	0	1
XLOC_011531	LOC729966	chr19:18360759-18366229	0	0	0	1
XLOC_011540	COMP	chr19:18893582-18902114	0	0	0	1
XLOC_011560	MIR1270-2	chr19:20510080-20510163	0	0	0	1
XLOC_011561	ZNF826P	chr19:20578625-20607771	0	0	0	1
XLOC_011562	MIR1270-2	chr19:20578625-20607771	0	0	0	1
XLOC_011569	ZNF676	chr19:22361902-22379753	0	0	0	1
XLOC_011570	ZNF98	chr19:22573898-22605148	0	0	0	1
XLOC_011572	ZNF728	chr19:23157684-23186010	0	0	0	1

XLOC_011580	LOC284395	chr19:29777917-30016659	0	0	0	1
XLOC_011582	TSHZ3	chr19:31765850-31840190	0	0	0	1
XLOC_011594	LOC400685	chr19:35307057-35323773	0	0	0	1
XLOC_011595	LOC100652909	chr19:35382932-35389847	0	0	0	1
XLOC_011597	LOC100128675	chr19:35531409-35597208	0	0	0	1
XLOC_011604	ATP4A	chr19:36041094-36054560	0	0	0	1
XLOC_011609	PRODH2	chr19:36290891-36304201	0	0	0	1
XLOC_011612	TYROBP	chr19:36395302-36399211	0	0	0	1
XLOC_011639	LOC100631378	chr19:38308050-38345836	0	0	0	1
XLOC_011642	PPP1R14A	chr19:38741876-38747231	0	0	0	1
XLOC_011648	LGALS7	chr19:39261607-39264157	0	0	0	1
XLOC_011658	SYCN	chr19:39693561-39694906	0	0	0	1
XLOC_011659	IFNL3	chr19:39734271-39735611	0	0	0	1
XLOC_011660	IFNL4	chr19:39736953-39739496	0	0	0	1
XLOC_011664	MIR4530	chr19:39900262-39900318	0	0	0	1
XLOC_011668	CLC	chr19:40221892-40228669	0	0	0	1
XLOC_011677	MIR641	chr19:40736223-40791302	0	0	0	1
XLOC_011687	CYP2A6	chr19:41349442-41356352	0	0	0	1
XLOC_011688	CYP2A7	chr19:41381343-41388657	0	0	0	1
XLOC_011694	LOC100505495	chr19:41960073-42006554	0	0	0	1
XLOC_011695	CEACAM4	chr19:42125343-42133442	0	0	0	1
XLOC_011696	CEACAM7	chr19:42177234-42192096	0	0	0	1
XLOC_011697	LYPD4	chr19:42341149-42348508	0	0	0	1
XLOC_011702	MIR4323	chr19:42636780-42641251	0	0	0	1
XLOC_011709	CXCL17	chr19:42901299-43156507	0	0	0	1
XLOC_011713	PSG8	chr19:43256838-43269831	0	0	0	1
XLOC_011714	PSG10P	chr19:43341148-43359870	0	0	0	1
XLOC_011716	PSG6	chr19:43406233-43422076	0	0	0	1
XLOC_011717	PSG7	chr19:43428283-43441330	0	0	0	1
XLOC_011718	PSG11	chr19:43511808-43530631	0	0	0	1
XLOC_011722	LOC284344	chr19:43715942-43752798	0	0	0	1
XLOC_011746	MIR4531	chr19:45147097-45169428	0	0	0	1
XLOC_011759	MIR330	chr19:46112657-46148775	0	0	0	1
XLOC_011760	MIR642B	chr19:46171501-46185717	0	0	0	1
XLOC_011766	RSPH6A	chr19:46298967-46318605	0	0	0	1
XLOC_011770	NANOS2	chr19:46416472-46418036	0	0	0	1
XLOC_011771	NOVA2	chr19:46442770-46476657	0	0	0	1
XLOC_011772	PGLYRP1	chr19:46522411-46526556	0	0	0	1
XLOC_011774	IGFL3	chr19:46623327-46627931	0	0	0	1
XLOC_011775	RNU6-66	chr19:46720994-46846690	0	0	0	1
XLOC_011776	CCDC8	chr19:46913585-46916919	0	0	0	1
XLOC_011779	PNMAL2	chr19:46984044-47104457	0	0	0	1
XLOC_011781	GNG8	chr19:47137332-47137939	0	0	0	1
XLOC_011784	MIR320E	chr19:47150868-47220384	0	0	0	1
XLOC_011787	SNAR-E	chr19:47333841-47333961	0	0	0	1
XLOC_011792	MIR3191	chr19:47724078-47736023	0	0	0	1
XLOC_011797	ZNF541	chr19:48023946-48059113	0	0	0	1
XLOC_011798	TPRX1	chr19:48304499-48306861	0	0	0	1
XLOC_011799	SULT2A1	chr19:48373722-48389654	0	0	0	1
XLOC_011800	BSPH1	chr19:48471302-48495427	0	0	0	1
XLOC_011801	CABP5	chr19:48532639-48547311	0	0	0	1
XLOC_011821	TULP2	chr19:49384221-49401996	0	0	0	1
XLOC_011826	SNAR-G2	chr19:49534925-49535044	0	0	0	1
XLOC_011827	CGB1	chr19:49538825-49540191	0	0	0	1
XLOC_011835	MIR4324	chr19:49792891-49828474	0	0	0	1
XLOC_011840	MIR150	chr19:50004041-50004125	0	0	0	1
XLOC_011844	TSKS	chr19:50243010-50266515	0	0	0	1
XLOC_011852	SNAR-A8	chr19:50595745-50595866	0	0	0	1
XLOC_011853	SNAR-A4	chr19:50601082-50601203	0	0	0	1
XLOC_011854	SNAR-A10	chr19:50604147-50604268	0	0	0	1
XLOC_011855	SNAR-A7	chr19:50607211-50607332	0	0	0	1
XLOC_011856	SNAR-A14	chr19:50610270-50610391	0	0	0	1
XLOC_011857	SNAR-A3	chr19:50615624-50615745	0	0	0	1
XLOC_011858	SNAR-A6	chr19:50620976-50621097	0	0	0	1
XLOC_011859	SNAR-A10	chr19:50626330-50626451	0	0	0	1
XLOC_011860	SNAR-A8	chr19:50631658-50631779	0	0	0	1
XLOC_011861	SNAR-B1	chr19:50637001-50637121	0	0	0	1
XLOC_011862	SNAR-B2	chr19:50642374-50642494	0	0	0	1
XLOC_011863	SNAR-D	chr19:50643458-50643577	0	0	0	1
XLOC_011864	IZUMO2	chr19:50655804-50666538	0	0	0	1
XLOC_011866	NAPSB	chr19:50837056-50848005	0	0	0	1
XLOC_011875	SNORD88B	chr19:51300960-51307974	0	0	0	1
XLOC_011876	SNORD88A	chr19:51300960-51307974	0	0	0	1
XLOC_011877	SNORD88C	chr19:51300960-51307974	0	0	0	1
XLOC_011880	KLKP1	chr19:51385351-51399654	0	0	0	1
XLOC_011882	KLK5	chr19:51446558-51456344	0	0	0	1
XLOC_011884	KLK7	chr19:51479734-51487320	0	0	0	1
XLOC_011886	KLK9	chr19:51505768-51512890	0	0	0	1
XLOC_011887	KLK10	chr19:51515999-51523431	0	0	0	1

XLOC_011888	KLK11	chr19:51525486-51531290	0	0	0	1
XLOC_011889	KLK12	chr19:51532347-51538148	0	0	0	1
XLOC_011890	KLK13	chr19:51559462-51568367	0	0	0	1
XLOC_011896	NKG7	chr19:51874873-51875960	0	0	0	1
XLOC_011897	LIM2	chr19:51883162-51891210	0	0	0	1
XLOC_011900	SIGLEC8	chr19:51954250-51961708	0	0	0	1
XLOC_011901	SIGLEC12	chr19:51994612-52005043	0	0	0	1
XLOC_011902	SIGLEC6	chr19:52022783-52035110	0	0	0	1
XLOC_011907	FPR1	chr19:52249022-52255150	0	0	0	1
XLOC_011926	ZNF415	chr19:53611131-53636173	0	0	0	1
XLOC_011930	VN1R4	chr19:53770012-53770918	0	0	0	1
XLOC_011931	BIRC8	chr19:53792853-53794875	0	0	0	1
XLOC_011933	MIR371B	chr19:54290928-54290996	0	0	0	1
XLOC_011936	TARM1	chr19:54573200-54584634	0	0	0	1
XLOC_011944	LILRB5	chr19:54754269-54761167	0	0	0	1
XLOC_011945	LILRB2	chr19:54777674-54785033	0	0	0	1
XLOC_011946	LILRA3	chr19:54799854-54804265	0	0	0	1
XLOC_011948	LILRA4	chr19:54844691-54850421	0	0	0	1
XLOC_011952	NLRP7	chr19:55434876-55458873	0	0	0	1
XLOC_011953	RNU6-64	chr19:55471012-55471043	0	0	0	1
XLOC_011967	FAM71E2	chr19:55866275-55874620	0	0	0	1
XLOC_011974	SGK110	chr19:56052022-56056909	0	0	0	1
XLOC_011980	NLRP13	chr19:56407310-56443702	0	0	0	1
XLOC_011986	ZNF835	chr19:57174019-57183123	0	0	0	1
XLOC_011987	PEG3,ZIM2	chr19:57285922-57352097	0	0	0	1
XLOC_011988	ZIM3	chr19:57645463-57656570	0	0	0	1
XLOC_012000	ZNF418	chr19:58433251-58446740	0	0	0	1
XLOC_012001	ZNF256	chr19:58452200-58459077	0	0	0	1
XLOC_012003	ZNF606	chr19:58488440-58518574	0	0	0	1
XLOC_012009	MIR4754	chr19:58898136-58898225	0	0	0	1
XLOC_012027	TPO	chr2:1417232-1546499	0	0	0	1
XLOC_012028	LOC730811	chr2:1792884-2335045	0	0	0	1
XLOC_012034	SOX11	chr2:5832798-5841517	0	0	0	1
XLOC_012035	LOC150622	chr2:6072818-6120350	0	0	0	1
XLOC_012036	LOC400940	chr2:6122109-6128364	0	0	0	1
XLOC_012051	KCNF1	chr2:11052062-11054351	0	0	0	1
XLOC_012054	LINC00570	chr2:11534106-11543203	0	0	0	1
XLOC_012058	MIR3125	chr2:12856997-12882858	0	0	0	1
XLOC_012061	MYCN	chr2:16080019-16087129	0	0	0	1
XLOC_012062	VSNL1	chr2:17721806-17837706	0	0	0	1
XLOC_012064	MSGN1	chr2:17997785-17998367	0	0	0	1
XLOC_012065	KCNS3	chr2:18059944-18114225	0	0	0	1
XLOC_012066	MIR4757	chr2:19548189-19548266	0	0	0	1
XLOC_012067	FLJ12334	chr2:20068614-20084808	0	0	0	1
XLOC_012069	GDF7	chr2:20866423-20871250	0	0	0	1
XLOC_012085	C2orf70	chr2:26785480-26802395	0	0	0	1
XLOC_012089	DPYSL5	chr2:27070968-27173219	0	0	0	1
XLOC_012096	TCF23	chr2:27371944-27375819	0	0	0	1
XLOC_012099	DNAJC5G	chr2:27498288-27504296	0	0	0	1
XLOC_012112	MIR4263	chr2:28004265-28561767	0	0	0	1
XLOC_012114	PLB1	chr2:28718937-28866653	0	0	0	1
XLOC_012118	SNORD92	chr2:29117532-29171080	0	0	0	1
XLOC_012119	SNORD53	chr2:29117532-29171080	0	0	0	1
XLOC_012123	LBH	chr2:30454396-30482899	0	0	0	1
XLOC_012125	EHD3	chr2:31456879-31491260	0	0	0	1
XLOC_012130	MIR558	chr2:32582095-32843965	0	0	0	1
XLOC_012132	MIR4765	chr2:32853086-33046118	0	0	0	1
XLOC_012133	LINC00486	chr2:33050509-33171202	0	0	0	1
XLOC_012134	LOC100271832	chr2:33050509-33171202	0	0	0	1
XLOC_012138	VIT	chr2:36923832-37041937	0	0	0	1
XLOC_012144	CYP1B1-AS1	chr2:38358246-38408993	0	0	0	1
XLOC_012151	SLC8A1-AS1	chr2:40144773-40739575	0	0	0	1
XLOC_012152	LOC388942	chr2:42104694-42121186	0	0	0	1
XLOC_012159	ABCG8	chr2:44066102-44105605	0	0	0	1
XLOC_012163	SIX3	chr2:45169036-45173216	0	0	0	1
XLOC_012166	TMEM247	chr2:46706703-46711564	0	0	0	1
XLOC_012174	MIR559	chr2:47596286-47614167	0	0	0	1
XLOC_012185	RPL23AP32	chr2:54683453-54898583	0	0	0	1
XLOC_012190	CCDC85A	chr2:56411257-56613309	0	0	0	1
XLOC_012192	FLJ30838	chr2:58747887-59290901	0	0	0	1
XLOC_012201	MIR5192	chr2:62423261-62451866	0	0	0	1
XLOC_012208	MIR4434	chr2:64751438-64820138	0	0	0	1
XLOC_012209	LOC339807	chr2:64834445-64843616	0	0	0	1
XLOC_012218	PROKR1	chr2:68872953-68882708	0	0	0	1
XLOC_012219	ARHGAP25	chr2:68961912-69053957	0	0	0	1
XLOC_012220	GKN1	chr2:69201704-69208112	0	0	0	1
XLOC_012221	ANTXR1	chr2:69240275-69476459	0	0	0	1
XLOC_012222	MIR3126	chr2:69240275-69476459	0	0	0	1
XLOC_012230	ATP6V1B1	chr2:71162997-71192561	0	0	0	1

XLOC_012232	OR7E91P	chr2:71251204-71257060	0	0	0	1
XLOC_012238	EMX1	chr2:73144603-73162020	0	0	0	1
XLOC_012239	NOTO	chr2:73429385-73438340	0	0	0	1
XLOC_012251	DCTN1-AS1	chr2:74588280-74621008	0	0	0	1
XLOC_012262	MIR5000	chr2:75273589-75426645	0	0	0	1
XLOC_012264	REG3G	chr2:79252811-79255630	0	0	0	1
XLOC_012265	REG1A	chr2:79347583-79350545	0	0	0	1
XLOC_012267	LOC1720	chr2:83083926-83084893	0	0	0	1
XLOC_012268	FUNDC2P2	chr2:84517805-84519324	0	0	0	1
XLOC_012280	GNLY	chr2:85921413-85925875	0	0	0	1
XLOC_012282	LOC284950	chr2:86042252-86053911	0	0	0	1
XLOC_012289	RGPD1,RGPD2	chr2:87140934-87248973	0	0	0	1
XLOC_012291	MIR4435-1	chr2:87929273-87929353	0	0	0	1
XLOC_012293	SMYD1	chr2:88367298-88412902	0	0	0	1
XLOC_012294	THNSL2	chr2:88469813-88486156	0	0	0	1
XLOC_012295	TEX37	chr2:88824168-88829103	0	0	0	1
XLOC_012297	ANKRD36BP2	chr2:89065418-89106109	0	0	0	1
XLOC_012298	MIR4436A	chr2:89111883-89111968	0	0	0	1
XLOC_012300	ACTR3BP2	chr2:92129158-92130496	0	0	0	1
XLOC_012302	MAL	chr2:95691399-95719737	0	0	0	1
XLOC_012307	TRIM43	chr2:96257765-96265469	0	0	0	1
XLOC_012316	MIR3127	chr2:97426638-97477628	0	0	0	1
XLOC_012323	VWA3B	chr2:98703594-98929410	0	0	0	1
XLOC_012324	CNGA3	chr2:98962617-99015064	0	0	0	1
XLOC_012331	NMS	chr2:101086943-101099742	0	0	0	1
XLOC_012336	MIR5696	chr2:101925911-101925996	0	0	0	1
XLOC_012338	IL1R2	chr2:102608305-102644884	0	0	0	1
XLOC_012340	IL1RL2	chr2:102803432-102855817	0	0	0	1
XLOC_012344	MIR4772	chr2:103035253-103069024	0	0	0	1
XLOC_012348	LOC150568	chr2:105050804-105129211	0	0	0	1
XLOC_012349	POU3F3	chr2:105471968-105473477	0	0	0	1
XLOC_012354	C2orf40	chr2:106682112-106694606	0	0	0	1
XLOC_012355	PLGLA	chr2:106998569-107007857	0	0	0	1
XLOC_012357	SLC5A7	chr2:108602994-108630444	0	0	0	1
XLOC_012358	SULT1C3	chr2:108863650-108881807	0	0	0	1
XLOC_012360	SULT1C2P1	chr2:108938693-108970254	0	0	0	1
XLOC_012368	RGPD5,RGPD6	chr2:110550334-110615282	0	0	0	1
XLOC_012371	LOC100507334	chr2:111003214-111024135	0	0	0	1
XLOC_012372	MIR4436B2	chr2:111042429-111042520	0	0	0	1
XLOC_012373	ACOXL	chr2:111490149-111875796	0	0	0	1
XLOC_012384	IL36G	chr2:113735605-113743227	0	0	0	1
XLOC_012385	IL36A	chr2:113763448-113765627	0	0	0	1
XLOC_012386	IL36RN	chr2:113816214-113822320	0	0	0	1
XLOC_012387	IL1F10	chr2:113825546-113833427	0	0	0	1
XLOC_012388	IL1RN	chr2:113875469-113891593	0	0	0	1
XLOC_012394	FAM138B	chr2:114334958-114336425	0	0	0	1
XLOC_012399	DPP10	chr2:115199898-116602326	0	0	0	1
XLOC_012402	MARCO	chr2:119699744-119752236	0	0	0	1
XLOC_012406	PCDP1	chr2:120302007-120414237	0	0	0	1
XLOC_012412	GLI2	chr2:121554866-121750225	0	0	0	1
XLOC_012416	CNTNAP5	chr2:124782863-125672863	0	0	0	1
XLOC_012417	GYPC	chr2:127413510-127454257	0	0	0	1
XLOC_012418	PROC	chr2:128175995-128186822	0	0	0	1
XLOC_012420	GPR17	chr2:128395995-128439360	0	0	0	1
XLOC_012424	CCDC74B-AS1	chr2:130887195-130902707	0	0	0	1
XLOC_012428	CFC1B	chr2:131278666-131285566	0	0	0	1
XLOC_012429	LOC646743,TISP43	chr2:131328401-131341734	0	0	0	1
XLOC_012430	CYP4F30P	chr2:131437622-131443438	0	0	0	1
XLOC_012431	GPR148	chr2:131486642-131487906	0	0	0	1
XLOC_012432	AMER3	chr2:131513076-131525707	0	0	0	1
XLOC_012435	POTEE	chr2:131975923-132022416	0	0	0	1
XLOC_012436	LOC440910	chr2:132036862-132057392	0	0	0	1
XLOC_012437	LOC389043	chr2:132160473-132165807	0	0	0	1
XLOC_012438	RNU6-81	chr2:132202795-132360466	0	0	0	1
XLOC_012444	MIR3679	chr2:134884695-134884763	0	0	0	1
XLOC_012446	ACMSD	chr2:135596185-135676176	0	0	0	1
XLOC_012450	MIR128-1	chr2:136289082-136482833	0	0	0	1
XLOC_012453	THSD7B	chr2:137748461-138435287	0	0	0	1
XLOC_012457	KYNU	chr2:143635194-143799888	0	0	0	1
XLOC_012458	ARHGAP15	chr2:143886898-144525927	0	0	0	1
XLOC_012459	ZEB2-AS1	chr2:145141941-145278466	0	0	0	1
XLOC_012460	DKFZp686O1327	chr2:145425533-145834297	0	0	0	1
XLOC_012465	KIF5C	chr2:149632791-149883272	0	0	0	1
XLOC_012466	LYPD6B	chr2:149894980-150071777	0	0	0	1
XLOC_012468	TNFAIP6	chr2:152214105-152236562	0	0	0	1
XLOC_012469	MIR4773-1	chr2:152214105-152236562	0	0	0	1
XLOC_012473	GALNT13	chr2:154728425-155313956	0	0	0	1
XLOC_012476	GALNT5	chr2:158114339-158167913	0	0	0	1
XLOC_012477	UPP2	chr2:158851690-158992666	0	0	0	1

XLOC_012478	CCDC148-AS1	chr2:159023161-159313265	0	0	0	1
XLOC_012480	DAPL1	chr2:159651828-159672496	0	0	0	1
XLOC_012486	SLC4A10	chr2:162480844-162841786	0	0	0	1
XLOC_012489	CSRNP3	chr2:166326156-166545917	0	0	0	1
XLOC_012491	XIRP2	chr2:167744996-168116267	0	0	0	1
XLOC_012492	B3GALT1	chr2:168675181-168727366	0	0	0	1
XLOC_012494	MIR4774	chr2:169312758-169642935	0	0	0	1
XLOC_012496	G6PC2	chr2:169757749-169766510	0	0	0	1
XLOC_012504	MYO3B	chr2:171034654-171511674	0	0	0	1
XLOC_012520	LOC285084	chr2:175190754-175195370	0	0	0	1
XLOC_012521	SP9	chr2:175199820-175202268	0	0	0	1
XLOC_012524	HOXD12	chr2:176964529-176965488	0	0	0	1
XLOC_012525	HOXD11	chr2:176972083-176974316	0	0	0	1
XLOC_012526	HOXD10	chr2:176981491-176984670	0	0	0	1
XLOC_012529	MIR10B	chr2:177015030-177015140	0	0	0	1
XLOC_012537	OSBPL6	chr2:179059207-179672150	0	0	0	1
XLOC_012542	ITGA4	chr2:182321618-182521834	0	0	0	1
XLOC_012544	PPP1R1C	chr2:182818967-182996105	0	0	0	1
XLOC_012548	ZNF804A	chr2:185463092-185804214	0	0	0	1
XLOC_012549	FSIP2	chr2:186603354-186698016	0	0	0	1
XLOC_012554	MIR561	chr2:189156395-189460652	0	0	0	1
XLOC_012555	COL3A1	chr2:189839098-189877472	0	0	0	1
XLOC_012556	MIR1245A	chr2:189839098-189877472	0	0	0	1
XLOC_012568	PCGEM1	chr2:193614570-193641622	0	0	0	1
XLOC_012574	PLCL1	chr2:198669425-199014608	0	0	0	1
XLOC_012589	CDK15	chr2:202671151-202760272	0	0	0	1
XLOC_012592	SNORD70	chr2:203130514-203168384	0	0	0	1
XLOC_012593	SNORD11B	chr2:203130514-203168384	0	0	0	1
XLOC_012594	SNORD11	chr2:203130514-203168384	0	0	0	1
XLOC_012601	CD28	chr2:204571197-204603636	0	0	0	1
XLOC_012602	CTLA4	chr2:204732510-204738683	0	0	0	1
XLOC_012603	ICOS	chr2:204801470-204826298	0	0	0	1
XLOC_012607	SNORD51	chr2:207024317-207027652	0	0	0	1
XLOC_012610	ADAM23	chr2:207308367-207482675	0	0	0	1
XLOC_012611	LOC200726	chr2:207507141-207514172	0	0	0	1
XLOC_012613	MIR3130-2	chr2:207630111-207660917	0	0	0	1
XLOC_012617	LOC100507443	chr2:208983852-209021488	0	0	0	1
XLOC_012620	PTH2R	chr2:209224568-209359237	0	0	0	1
XLOC_012625	CPS1-IT1	chr2:211342405-211543837	0	0	0	1
XLOC_012627	VWC2L	chr2:215276460-215440652	0	0	0	1
XLOC_012628	VWC2L-IT1	chr2:215276460-215440652	0	0	0	1
XLOC_012636	RUFY4	chr2:218899656-218955304	0	0	0	1
XLOC_012644	MIR26B	chr2:219263060-219270664	0	0	0	1
XLOC_012645	VIL1	chr2:219283837-219314248	0	0	0	1
XLOC_012652	WNT6	chr2:219724545-219738954	0	0	0	1
XLOC_012654	CDK5R2	chr2:219824349-219826872	0	0	0	1
XLOC_012655	LINC00608	chr2:219841005-219842644	0	0	0	1
XLOC_012656	LOC100129175	chr2:219866936-219906242	0	0	0	1
XLOC_012671	CCDC140	chr2:223064605-223169936	0	0	0	1
XLOC_012673	MOGAT1	chr2:223536456-223574645	0	0	0	1
XLOC_012675	KCNE4	chr2:223916647-223920357	0	0	0	1
XLOC_012677	NYAP2	chr2:226265601-226518734	0	0	0	1
XLOC_012678	MIR548AR	chr2:226628160-226628187	0	0	0	1
XLOC_012679	LOC646736	chr2:227007509-227044778	0	0	0	1
XLOC_012684	CCL20	chr2:228678557-228682280	0	0	0	1
XLOC_012692	LOC151484	chr2:231751260-231769232	0	0	0	1
XLOC_012693	SPATA3	chr2:231860838-231871995	0	0	0	1
XLOC_012697	MIR4777	chr2:232063293-232238606	0	0	0	1
XLOC_012699	C2orf57	chr2:232457574-232458994	0	0	0	1
XLOC_012703	ALPP	chr2:233243347-233247595	0	0	0	1
XLOC_012704	ALPPL2	chr2:233271551-233275424	0	0	0	1
XLOC_012705	ALPI	chr2:233320832-233324742	0	0	0	1
XLOC_012713	NEU2	chr2:233897381-233899767	0	0	0	1
XLOC_012720	UGT1A1,UGT1A10,UGT1A3	chr2:234526290-234681957	0	0	0	1
XLOC_012721	TRPM8	chr2:234826042-234928166	0	0	0	1
XLOC_012722	SPP2	chr2:234959345-234985776	0	0	0	1
XLOC_012725	CXCR7	chr2:237478379-237490999	0	0	0	1
XLOC_012727	MLPH	chr2:238395877-238463967	0	0	0	1
XLOC_012728	PRLH	chr2:238475216-238475818	0	0	0	1
XLOC_012738	TWIST2	chr2:239756672-239832232	0	0	0	1
XLOC_012739	MIR4269	chr2:239969863-240322642	0	0	0	1
XLOC_012740	LOC150935	chr2:240684553-240722356	0	0	0	1
XLOC_012742	MIR149	chr2:241375114-241407495	0	0	0	1
XLOC_012747	AQP12A	chr2:241631261-241637900	0	0	0	1
XLOC_012748	AGXT	chr2:241808161-241818536	0	0	0	1
XLOC_012758	GAL3ST2	chr2:242716239-242743702	0	0	0	1
XLOC_012760	CXXC11	chr2:242811885-242815482	0	0	0	1
XLOC_012766	LOC339822	chr2:779836-864112	0	0	0	1
XLOC_012768	MYT1L	chr2:1792884-2335045	0	0	0	1

XLOC_012772	LOC100505964	chr2:4005244-4021622	0	0	0	1
XLOC_012773	LOC727982	chr2:4675807-4703812	0	0	0	1
XLOC_012774	LINC00487	chr2:6869299-6910442	0	0	0	1
XLOC_012777	LOC339788	chr2:8062555-8116945	0	0	0	1
XLOC_012778	LINC00299	chr2:8147900-8468549	0	0	0	1
XLOC_012784	CYS1	chr2:10196925-10220538	0	0	0	1
XLOC_012785	MIR4261	chr2:10281980-10350942	0	0	0	1
XLOC_012790	FLJ33534	chr2:11239976-11272302	0	0	0	1
XLOC_012793	MIR4429	chr2:11674241-11782912	0	0	0	1
XLOC_012794	NTSR2	chr2:11798303-11810329	0	0	0	1
XLOC_012795	MIR4262	chr2:11977058-11977112	0	0	0	1
XLOC_012796	LOC100506474	chr2:13106907-13147138	0	0	0	1
XLOC_012798	MYCNOS	chr2:16080019-16087129	0	0	0	1
XLOC_012800	RAD51AP2	chr2:17691985-17699706	0	0	0	1
XLOC_012812	APOB	chr2:21224300-21266945	0	0	0	1
XLOC_012823	POMC	chr2:25383721-25391559	0	0	0	1
XLOC_012825	MIR1301	chr2:25455829-25565459	0	0	0	1
XLOC_012832	CIB4	chr2:26804072-26864211	0	0	0	1
XLOC_012836	C2orf53	chr2:27359714-27362332	0	0	0	1
XLOC_012838	SLC30A3	chr2:27477439-27485960	0	0	0	1
XLOC_012853	C2orf71	chr2:29284555-29297127	0	0	0	1
XLOC_012854	ALK	chr2:29415639-30144477	0	0	0	1
XLOC_012855	CAPN13	chr2:30945637-31030311	0	0	0	1
XLOC_012856	GALNT14	chr2:31133330-31361592	0	0	0	1
XLOC_012857	CAPN14	chr2:31395921-31440411	0	0	0	1
XLOC_012858	XDH	chr2:31557187-31637611	0	0	0	1
XLOC_012859	SRD5A2	chr2:31749655-31806040	0	0	0	1
XLOC_012870	SULT6B1	chr2:37394962-37415690	0	0	0	1
XLOC_012874	CYP1B1	chr2:38294745-38303323	0	0	0	1
XLOC_012881	CDKL4	chr2:39405687-39456673	0	0	0	1
XLOC_012884	SLC8A1	chr2:40144773-40739575	0	0	0	1
XLOC_012885	C2orf91	chr2:42162507-42180943	0	0	0	1
XLOC_012887	KCNG3	chr2:42669156-42721237	0	0	0	1
XLOC_012889	HAAO	chr2:42994228-43019751	0	0	0	1
XLOC_012892	LOC728819	chr2:43864438-43995126	0	0	0	1
XLOC_012896	MIR548AD	chr2:44589042-44999731	0	0	0	1
XLOC_012897	SIX2	chr2:45232323-45236542	0	0	0	1
XLOC_012905	KCNK12	chr2:47747914-47797470	0	0	0	1
XLOC_012907	LHCGR	chr2:48757063-49003656	0	0	0	1
XLOC_012908	FSHR	chr2:49189295-49381666	0	0	0	1
XLOC_012909	NRXN1	chr2:50145642-51259674	0	0	0	1
XLOC_012911	MIR3682	chr2:53897116-54087170	0	0	0	1
XLOC_012913	TSPYL6	chr2:54342409-54532435	0	0	0	1
XLOC_012920	EFEMP1	chr2:56093096-56151298	0	0	0	1
XLOC_012921	MIR217	chr2:56210101-56210211	0	0	0	1
XLOC_012922	MIR216A	chr2:56216084-56216194	0	0	0	1
XLOC_012923	MIR216B	chr2:56227848-56227930	0	0	0	1
XLOC_012925	MIR4432	chr2:60614496-60614580	0	0	0	1
XLOC_012931	SNORA70B	chr2:61404554-61697849	0	0	0	1
XLOC_012941	LINC00309	chr2:64412212-64432619	0	0	0	1
XLOC_012943	LOC400958	chr2:65128973-65159581	0	0	0	1
XLOC_012946	MIR4778	chr2:66585380-66585460	0	0	0	1
XLOC_012947	MEIS1-AS3	chr2:66650474-66660602	0	0	0	1
XLOC_012948	LOC644838	chr2:67350488-67442451	0	0	0	1
XLOC_012952	CNRIP1	chr2:68511302-68547183	0	0	0	1
XLOC_012954	BMP10	chr2:69092612-69098649	0	0	0	1
XLOC_012955	GKN2	chr2:69172363-69180102	0	0	0	1
XLOC_012968	FIGLA	chr2:71004441-71017775	0	0	0	1
XLOC_012969	CLEC4F	chr2:71035775-71047732	0	0	0	1
XLOC_012970	CD207	chr2:71057342-71062953	0	0	0	1
XLOC_012980	EGR4	chr2:73518056-73520829	0	0	0	1
XLOC_012981	NAT8	chr2:73867849-73869537	0	0	0	1
XLOC_012982	NAT8B	chr2:73927635-73928467	0	0	0	1
XLOC_013000	EVA1A	chr2:75719443-75796848	0	0	0	1
XLOC_013002	LRRTM4	chr2:76974849-77749502	0	0	0	1
XLOC_013003	SNAR-H	chr2:78182032-78182152	0	0	0	1
XLOC_013004	REG1B	chr2:79312148-79315150	0	0	0	1
XLOC_013005	REG1P	chr2:79362628-79365553	0	0	0	1
XLOC_013006	REG3A	chr2:79384131-79386880	0	0	0	1
XLOC_013007	MIR4264	chr2:79740059-80875988	0	0	0	1
XLOC_013008	LRRTM1	chr2:79740059-80875988	0	0	0	1
XLOC_013023	MIR4779	chr2:86371054-86422893	0	0	0	1
XLOC_013027	CD8B	chr2:87042459-87122165	0	0	0	1
XLOC_013030	RGPD1,RGPD2	chr2:88047605-88285309	0	0	0	1
XLOC_013032	MIR4780	chr2:88367298-88412902	0	0	0	1
XLOC_013033	FABP1	chr2:88422507-88427650	0	0	0	1
XLOC_013037	ANKRD20A8P,LOC90499	chr2:95421070-95522820	0	0	0	1
XLOC_013041	TRIM43B	chr2:96142714-96150479	0	0	0	1
XLOC_013055	FAM178B	chr2:97541618-97652301	0	0	0	1

XLOC_013072	CHST10	chr2:101008321-101034130	0	0	0	1
XLOC_013076	CREG2	chr2:101964815-102003965	0	0	0	1
XLOC_013077	RFY8	chr2:102013822-102091165	0	0	0	1
XLOC_013079	LOC100287010	chr2:104995307-105024790	0	0	0	1
XLOC_013080	LOC284998	chr2:105363094-105374177	0	0	0	1
XLOC_013081	LOC100506421	chr2:105421882-105467934	0	0	0	1
XLOC_013084	LOC285000	chr2:106209553-106227016	0	0	0	1
XLOC_013088	LOC729121	chr2:108439519-108442583	0	0	0	1
XLOC_013091	MIR4265	chr2:109743783-110262207	0	0	0	1
XLOC_013092	MIR4266	chr2:109743783-110262207	0	0	0	1
XLOC_013094	MIR4267	chr2:110827537-110827615	0	0	0	1
XLOC_013096	MIR4436B1	chr2:110841446-110874143	0	0	0	1
XLOC_013100	LIMS3	chr2:111160495-111230652	0	0	0	1
XLOC_013101	RGPD5, RGPD6	chr2:111271378-111336305	0	0	0	1
XLOC_013103	MIR4435-1	chr2:112078588-112078666	0	0	0	1
XLOC_013111	IL1B	chr2:113587336-113594356	0	0	0	1
XLOC_013112	IL36B	chr2:113779667-113810440	0	0	0	1
XLOC_013117	MIR4782	chr2:114471932-114514400	0	0	0	1
XLOC_013119	LOC389023	chr2:115199898-116602326	0	0	0	1
XLOC_013126	LOC84931	chr2:121221910-121223925	0	0	0	1
XLOC_013131	CYP27C1	chr2:127941411-127963343	0	0	0	1
XLOC_013134	MIR4783	chr2:128175995-128186822	0	0	0	1
XLOC_013142	LOC389033	chr2:130680434-130691890	0	0	0	1
XLOC_013143	LOC100131320	chr2:130724164-130740311	0	0	0	1
XLOC_013145	POTEF	chr2:130831107-130886795	0	0	0	1
XLOC_013148	TUBA3E	chr2:130949317-130956034	0	0	0	1
XLOC_013151	LOC646743, TISP43	chr2:131294142-131307488	0	0	0	1
XLOC_013152	CFC1, CFC1B	chr2:131349737-131357251	0	0	0	1
XLOC_013157	MIR4784	chr2:132202795-132360468	0	0	0	1
XLOC_013158	C2orf27B	chr2:132552533-132559234	0	0	0	1
XLOC_013160	MIR663B	chr2:132905163-133015542	0	0	0	1
XLOC_013162	NCKAP5	chr2:133429371-134326031	0	0	0	1
XLOC_013165	MAP3K19	chr2:135722272-135782244	0	0	0	1
XLOC_013170	CXCR4	chr2:136871918-136875725	0	0	0	1
XLOC_013171	NXPH2	chr2:139426726-139537811	0	0	0	1
XLOC_013172	LRP1B	chr2:140988995-142889270	0	0	0	1
XLOC_013174	ZEB2	chr2:145141941-145278465	0	0	0	1
XLOC_013186	RPRM	chr2:154333851-154335322	0	0	0	1
XLOC_013189	ERMN	chr2:158175124-158184146	0	0	0	1
XLOC_013190	CYTIP	chr2:158271130-158300604	0	0	0	1
XLOC_013197	PLA2R1	chr2:160797259-160919126	0	0	0	1
XLOC_013198	ITGB6	chr2:160958232-161056590	0	0	0	1
XLOC_013200	MIR4785	chr2:161128661-161350318	0	0	0	1
XLOC_013202	DPP4	chr2:162848754-162931052	0	0	0	1
XLOC_013203	GCG	chr2:162999378-163008914	0	0	0	1
XLOC_013204	FAP	chr2:163027199-163100045	0	0	0	1
XLOC_013206	KCNH7	chr2:163227916-163695257	0	0	0	1
XLOC_013208	GRB14	chr2:165349322-165478360	0	0	0	1
XLOC_013210	SNORA70F	chr2:165541257-165697925	0	0	0	1
XLOC_013211	SLC38A11	chr2:165754708-165812035	0	0	0	1
XLOC_013216	SCN1A	chr2:166845669-167005642	0	0	0	1
XLOC_013217	SCN9A	chr2:167051696-167232497	0	0	0	1
XLOC_013218	SCN7A	chr2:167260082-167343481	0	0	0	1
XLOC_013222	ABCB11	chr2:169779448-169887833	0	0	0	1
XLOC_013232	RAPGEF4-AS1	chr2:173587917-173917620	0	0	0	1
XLOC_013238	WIPF1	chr2:175424301-175547627	0	0	0	1
XLOC_013239	CHRNA1	chr2:175612322-175629200	0	0	0	1
XLOC_013242	MIR933	chr2:175936977-176032934	0	0	0	1
XLOC_013245	EVX2	chr2:176944834-176948690	0	0	0	1
XLOC_013248	MIR1246	chr2:177465707-177465780	0	0	0	1
XLOC_013251	MIR3128	chr2:178095030-178129855	0	0	0	1
XLOC_013261	ZNF385B	chr2:180306710-180726232	0	0	0	1
XLOC_013262	MIR1258	chr2:180306710-180726232	0	0	0	1
XLOC_013264	MIR4437	chr2:182170319-182170375	0	0	0	1
XLOC_013267	PDE1A	chr2:183004761-183387572	0	0	0	1
XLOC_013270	ZSWIM2	chr2:187692206-187713897	0	0	0	1
XLOC_013273	DIRC1	chr2:189598464-189654831	0	0	0	1
XLOC_013274	MIR1245B	chr2:189839098-189877477	0	0	0	1
XLOC_013276	MIR3129	chr2:189896640-190044605	0	0	0	1
XLOC_013277	SLC40A1	chr2:190425315-190445537	0	0	0	1
XLOC_013285	SDPR	chr2:192699031-192712006	0	0	0	1
XLOC_013286	TMEFF2	chr2:192814746-193059644	0	0	0	1
XLOC_013289	HECW2	chr2:197063976-197457335	0	0	0	1
XLOC_013298	BOLL	chr2:198591602-198650938	0	0	0	1
XLOC_013308	CFLAR-AS1	chr2:201980876-202037411	0	0	0	1
XLOC_013323	DYTN	chr2:207516344-207583120	0	0	0	1
XLOC_013327	MIR2355	chr2:207938861-208031970	0	0	0	1
XLOC_013331	CRYGD	chr2:208983852-209021486	0	0	0	1
XLOC_013332	CRYGC	chr2:208983852-209021486	0	0	0	1

XLOC_013333	CRYGB	chr2:208983852-209021486	0	0	0	1
XLOC_013334	CRYGA	chr2:209025463-209028297	0	0	0	1
XLOC_013335	C2orf80	chr2:209030070-209054777	0	0	0	1
XLOC_013338	ACADL	chr2:211052715-211090214	0	0	0	1
XLOC_013339	MYL1	chr2:211154867-211179895	0	0	0	1
XLOC_013341	ERBB4	chr2:212240441-213403352	0	0	0	1
XLOC_013342	MIR548F2	chr2:212240441-213403352	0	0	0	1
XLOC_013343	MIR4776-2	chr2:213790980-213791066	0	0	0	1
XLOC_013345	LOC100130451	chr2:214141276-214148925	0	0	0	1
XLOC_013352	MARCH4	chr2:217122584-217236750	0	0	0	1
XLOC_013353	IGFBP5	chr2:217536827-217560277	0	0	0	1
XLOC_013354	TNP1	chr2:217724181-217724782	0	0	0	1
XLOC_013355	DIRC3	chr2:218148745-218621316	0	0	0	1
XLOC_013357	CXCR2P1	chr2:218899656-218955304	0	0	0	1
XLOC_013358	CXCR1	chr2:219027567-219031716	0	0	0	1
XLOC_013364	PRKAG3	chr2:219687105-219696512	0	0	0	1
XLOC_013366	CRYBA2	chr2:219854911-219858127	0	0	0	1
XLOC_013367	MIR375	chr2:219866366-219866430	0	0	0	1
XLOC_013370	MIR3131	chr2:219919141-219925238	0	0	0	1
XLOC_013379	MIR153-1	chr2:220154344-220174295	0	0	0	1
XLOC_013380	RESP18	chr2:220192130-220197895	0	0	0	1
XLOC_013383	MIR3132	chr2:220408744-220415317	0	0	0	1
XLOC_013385	MIR4268	chr2:220771222-220771286	0	0	0	1
XLOC_013387	PAX3	chr2:223064605-223169936	0	0	0	1
XLOC_013389	SCG2	chr2:224461657-224467217	0	0	0	1
XLOC_013393	FAM124B	chr2:225243414-225266717	0	0	0	1
XLOC_013395	DOCK10	chr2:225629806-225907330	0	0	0	1
XLOC_013396	MIR4439	chr2:225629806-225907330	0	0	0	1
XLOC_013397	MIR5702	chr2:227523425-227523505	0	0	0	1
XLOC_013401	C2orf83	chr2:228474805-228498036	0	0	0	1
XLOC_013403	SPHKAP	chr2:228844669-229046367	0	0	0	1
XLOC_013404	PID1	chr2:229888688-230136057	0	0	0	1
XLOC_013405	DNER	chr2:230222344-230579286	0	0	0	1
XLOC_013410	GPR55	chr2:231772042-231789947	0	0	0	1
XLOC_013415	SNORD20	chr2:232319458-232329205	0	0	0	1
XLOC_013416	SNORD82	chr2:232319458-232329205	0	0	0	1
XLOC_013418	NMUR1	chr2:232387870-232395182	0	0	0	1
XLOC_013420	MIR1471	chr2:232756951-232757008	0	0	0	1
XLOC_013421	NPPC	chr2:232786804-232791038	0	0	0	1
XLOC_013422	ECEL1P2	chr2:233250459-233251754	0	0	0	1
XLOC_013423	ECEL1	chr2:233344536-233352532	0	0	0	1
XLOC_013428	DNAJB3	chr2:234526290-234681957	0	0	0	1
XLOC_013429	LOC100286922	chr2:234526290-234681957	0	0	0	1
XLOC_013433	GBX2	chr2:237074306-237076652	0	0	0	1
XLOC_013434	ASB18	chr2:237103514-237172988	0	0	0	1
XLOC_013435	IQCA1	chr2:237232789-237416178	0	0	0	1
XLOC_013439	LOC151174	chr2:239133753-239140318	0	0	0	1
XLOC_013443	FLJ43879	chr2:239840997-239847965	0	0	0	1
XLOC_013445	MIR4440	chr2:239969863-240322642	0	0	0	1
XLOC_013446	MIR4441	chr2:239969863-240322642	0	0	0	1
XLOC_013448	MIR2467	chr2:239969863-240322642	0	0	0	1
XLOC_013449	MIR4786	chr2:240882431-240882517	0	0	0	1
XLOC_013451	OR6B2	chr2:240968907-240969846	0	0	0	1
XLOC_013452	PRR21	chr2:240981229-240982395	0	0	0	1
XLOC_013453	OR6B3	chr2:240984493-240985485	0	0	0	1
XLOC_013458	AQP12B	chr2:241615834-241622317	0	0	0	1
XLOC_013461	LOC200772	chr2:241894035-241906866	0	0	0	1
XLOC_013470	DEFB125	chr20:68350-77296	0	0	0	1
XLOC_013471	DEFB126	chr20:123251-126392	0	0	0	1
XLOC_013472	DEFB127	chr20:138110-139804	0	0	0	1
XLOC_013473	DEFB129	chr20:207898-210527	0	0	0	1
XLOC_013474	DEFB132	chr20:238376-241736	0	0	0	1
XLOC_013489	TGM6	chr20:2361553-2413399	0	0	0	1
XLOC_013493	SNORA51	chr20:2633177-2639039	0	0	0	1
XLOC_013494	SNORD56	chr20:2633177-2639039	0	0	0	1
XLOC_013497	C20orf141	chr20:2795632-2796476	0	0	0	1
XLOC_013498	TMEM239	chr20:2796975-2797804	0	0	0	1
XLOC_013502	OXT	chr20:3052265-3053162	0	0	0	1
XLOC_013511	MIR103A2	chr20:3869485-3904502	0	0	0	1
XLOC_013515	PRND	chr20:4702555-4709106	0	0	0	1
XLOC_013520	CHGB	chr20:5891973-5906005	0	0	0	1
XLOC_013524	PLCB1	chr20:8113295-8865547	0	0	0	1
XLOC_013526	LAMP5	chr20:9495004-9511171	0	0	0	1
XLOC_013527	ANKEF1	chr20:10004459-10288066	0	0	0	1
XLOC_013528	SNAP25	chr20:10004459-10288066	0	0	0	1
XLOC_013536	OTOR	chr20:16729002-16732809	0	0	0	1
XLOC_013543	LINC00851	chr20:18359692-18362127	0	0	0	1
XLOC_013545	MIR3192	chr20:18448032-18465286	0	0	0	1
XLOC_013550	SCP2D1	chr20:18790371-18810839	0	0	0	1

XLOC_013551	SLC24A3	chr20:19193289-19703541	0	0	0	1
XLOC_013559	LOC100270679	chr20:22034727-22055292	0	0	0	1
XLOC_013560	SSTR4	chr20:23016056-23017314	0	0	0	1
XLOC_013563	CSTL1	chr20:23420321-23425567	0	0	0	1
XLOC_013564	CST8	chr20:23471765-23476655	0	0	0	1
XLOC_013565	CST13P	chr20:23499782-23522655	0	0	0	1
XLOC_013566	FLJ33581	chr20:24180402-24205224	0	0	0	1
XLOC_013567	SYNDIG1	chr20:24449834-24647167	0	0	0	1
XLOC_013568	CST7	chr20:24929865-24940564	0	0	0	1
XLOC_013575	DEFB115	chr20:29845466-29847435	0	0	0	1
XLOC_013576	DEFB118	chr20:29956420-29961705	0	0	0	1
XLOC_013577	DEFB123	chr20:30028410-30038060	0	0	0	1
XLOC_013578	REM1	chr20:30063104-30072708	0	0	0	1
XLOC_013579	LINC00028	chr20:30073580-30075377	0	0	0	1
XLOC_013583	MIR3193	chr20:30194988-30195043	0	0	0	1
XLOC_013584	COX4I2	chr20:30225690-30232800	0	0	0	1
XLOC_013587	TTL9	chr20:30458504-30530858	0	0	0	1
XLOC_013588	XKR7	chr20:30555804-30586256	0	0	0	1
XLOC_013590	HCK	chr20:30639990-30689657	0	0	0	1
XLOC_013595	LOC149950	chr20:31175280-31196694	0	0	0	1
XLOC_013598	BPIFB2	chr20:31595383-31611515	0	0	0	1
XLOC_013599	BPIFB6	chr20:31619453-31631853	0	0	0	1
XLOC_013600	BPIFB3	chr20:31643229-31661434	0	0	0	1
XLOC_013601	BPIFB4	chr20:31669317-31699557	0	0	0	1
XLOC_013602	BPIFA2	chr20:31755959-31769223	0	0	0	1
XLOC_013603	BPIFA4P	chr20:31781410-31798268	0	0	0	1
XLOC_013604	BPIFA3	chr20:31805134-31815559	0	0	0	1
XLOC_013605	BPIFA1	chr20:31823801-31831115	0	0	0	1
XLOC_013606	BPIFB1	chr20:31870940-31897684	0	0	0	1
XLOC_013613	MIR4755	chr20:32581457-32670991	0	0	0	1
XLOC_013616	MIR644A	chr20:32951040-33099198	0	0	0	1
XLOC_013622	MIR499A	chr20:33543703-33680618	0	0	0	1
XLOC_013641	LOC100287792	chr20:36305311-36311636	0	0	0	1
XLOC_013645	BPI	chr20:36932551-36965905	0	0	0	1
XLOC_013646	LBP	chr20:36974813-37005653	0	0	0	1
XLOC_013649	SNORA60	chr20:37075296-37079564	0	0	0	1
XLOC_013651	ADIG	chr20:37209837-37217104	0	0	0	1
XLOC_013653	SLC32A1	chr20:37353104-37358015	0	0	0	1
XLOC_013655	PPP1R16B	chr20:37434347-37551667	0	0	0	1
XLOC_013669	R3HDM1	chr20:42965625-42979875	0	0	0	1
XLOC_013670	HNF4A	chr20:42984440-43061485	0	0	0	1
XLOC_013671	MIR3646	chr20:42984440-43061485	0	0	0	1
XLOC_013680	SEMG1	chr20:43835637-43838414	0	0	0	1
XLOC_013681	SEMG2	chr20:43850009-43853099	0	0	0	1
XLOC_013682	RBPJL	chr20:43922086-43946464	0	0	0	1
XLOC_013685	WFC2	chr20:44098393-44110172	0	0	0	1
XLOC_013688	SPINT4	chr20:44350987-44354335	0	0	0	1
XLOC_013696	MMP9	chr20:44637546-44645200	0	0	0	1
XLOC_013700	EYA2	chr20:45523262-45817492	0	0	0	1
XLOC_013701	MIR3616	chr20:45523262-45817492	0	0	0	1
XLOC_013704	LINC00494	chr20:46988653-46999381	0	0	0	1
XLOC_013709	SNORD12C	chr20:47862438-47905795	0	0	0	1
XLOC_013710	SNORD12B	chr20:47862438-47905795	0	0	0	1
XLOC_013711	SNORD12	chr20:47862438-47905795	0	0	0	1
XLOC_013718	MIR645	chr20:49202322-49202416	0	0	0	1
XLOC_013724	DOK5	chr20:53092265-53267710	0	0	0	1
XLOC_013725	MC3R	chr20:54823787-54824871	0	0	0	1
XLOC_013733	SPO11	chr20:55904830-55998278	0	0	0	1
XLOC_013734	MIR5095	chr20:55904830-55998278	0	0	0	1
XLOC_013737	PCK1	chr20:56136136-56141513	0	0	0	1
XLOC_013738	MIR4532	chr20:56470449-56470500	0	0	0	1
XLOC_013739	C20orf85	chr20:56725982-56736183	0	0	0	1
XLOC_013747	ZNF831	chr20:57766074-57834167	0	0	0	1
XLOC_013748	EDN3	chr20:57875498-57901047	0	0	0	1
XLOC_013749	PHACTR3	chr20:58152563-58422766	0	0	0	1
XLOC_013751	CDH26	chr20:58533470-58588168	0	0	0	1
XLOC_013752	C20orf197	chr20:58630979-58648008	0	0	0	1
XLOC_013753	LOC284757	chr20:58713547-58897314	0	0	0	1
XLOC_013754	MIR4533	chr20:59053168-59053239	0	0	0	1
XLOC_013762	C20orf166	chr20:61141437-61167971	0	0	0	1
XLOC_013763	MIR1-1	chr20:61141437-61167971	0	0	0	1
XLOC_013772	LOC63930	chr20:61640734-61716423	0	0	0	1
XLOC_013774	HAR1A	chr20:61726844-61735737	0	0	0	1
XLOC_013775	MIR124-3	chr20:61809851-61809938	0	0	0	1
XLOC_013776	BIRC7	chr20:61867275-61871854	0	0	0	1
XLOC_013777	MIR3196	chr20:61867275-61871854	0	0	0	1
XLOC_013778	FLJ16779	chr20:61872135-61892967	0	0	0	1
XLOC_013780	MIR4326	chr20:61904164-61921142	0	0	0	1
XLOC_013791	MIR941-1,MIR941-3,MIR941	chr20:62526454-62567384	0	0	0	1

XLOC_013792	MIR941-2,MIR941-3,MIR941	chr20:62526454-62567384	0	0	0	1
XLOC_013801	DEFB128	chr20:168526-170264	0	0	0	1
XLOC_013805	TCF15	chr20:584636-590910	0	0	0	1
XLOC_013807	SCRT2	chr20:642239-656823	0	0	0	1
XLOC_013810	RSPO4	chr20:939095-982907	0	0	0	1
XLOC_013814	SIRPB2	chr20:1455235-1472233	0	0	0	1
XLOC_013815	SIRPD	chr20:1514896-1538343	0	0	0	1
XLOC_013816	SIRPB1	chr20:1545028-1600689	0	0	0	1
XLOC_013817	SIRPG	chr20:1609797-1638425	0	0	0	1
XLOC_013818	LOC100289473	chr20:1754010-1760392	0	0	0	1
XLOC_013819	PDYN	chr20:1959401-1974931	0	0	0	1
XLOC_013821	SNORD119	chr20:2442280-2451499	0	0	0	1
XLOC_013826	AVP	chr20:3063201-3065370	0	0	0	1
XLOC_013831	C20orf194	chr20:3229947-3388309	0	0	0	1
XLOC_013832	GFR4	chr20:3639938-3644046	0	0	0	1
XLOC_013833	ADAM33	chr20:3648619-3662738	0	0	0	1
XLOC_013838	MIR103B2	chr20:3869485-3904502	0	0	0	1
XLOC_013840	ADRA1D	chr20:4201277-4229659	0	0	0	1
XLOC_013841	PRNT	chr20:4711927-4721314	0	0	0	1
XLOC_013846	PROKR2	chr20:5282685-5295015	0	0	0	1
XLOC_013847	LINC00658	chr20:5412602-5426394	0	0	0	1
XLOC_013853	HAO1	chr20:7863630-7921093	0	0	0	1
XLOC_013855	PAK7	chr20:9518036-9819687	0	0	0	1
XLOC_013856	SNAP25-AS1	chr20:10004459-10288066	0	0	0	1
XLOC_013859	LOC339593	chr20:11247306-11254031	0	0	0	1
XLOC_013860	ISM1-AS1	chr20:13202417-13281297	0	0	0	1
XLOC_013863	SEL1L2	chr20:13830043-13975979	0	0	0	1
XLOC_013865	MACROD2-AS1	chr20:13976145-16033841	0	0	0	1
XLOC_013875	C20orf78	chr20:18790371-18810839	0	0	0	1
XLOC_013876	LOC100130264	chr20:19193289-19703541	0	0	0	1
XLOC_013879	NKX2-4	chr20:21376004-21378047	0	0	0	1
XLOC_013880	NKX2-2	chr20:21491659-21494664	0	0	0	1
XLOC_013881	LOC284788	chr20:22380970-22401281	0	0	0	1
XLOC_013883	FOXA2	chr20:22561641-22566101	0	0	0	1
XLOC_013884	THBD	chr20:23026269-23030301	0	0	0	1
XLOC_013885	CD93	chr20:23059992-23066977	0	0	0	1
XLOC_013886	LINC00656	chr20:23105704-23113273	0	0	0	1
XLOC_013888	CST11	chr20:23431040-23433482	0	0	0	1
XLOC_013889	CST9L	chr20:23545369-23549386	0	0	0	1
XLOC_013890	CST9	chr20:23583046-23586610	0	0	0	1
XLOC_013892	CST4	chr20:23666276-23669662	0	0	0	1
XLOC_013893	CST1	chr20:23728189-23731574	0	0	0	1
XLOC_013894	CST2	chr20:23804403-23807312	0	0	0	1
XLOC_013895	CST5	chr20:23856571-23860380	0	0	0	1
XLOC_013899	VSX1	chr20:25051520-25063015	0	0	0	1
XLOC_013900	LOC284798	chr20:25121433-25129426	0	0	0	1
XLOC_013906	NCOR1P1	chr20:26084051-26094677	0	0	0	1
XLOC_013910	DEFB116	chr20:29891014-29896388	0	0	0	1
XLOC_013911	DEFB119	chr20:29964965-29978452	0	0	0	1
XLOC_013912	DEFB121	chr20:29992647-30000641	0	0	0	1
XLOC_013913	DEFB122	chr20:30009241-30016983	0	0	0	1
XLOC_013914	DEFB124	chr20:30053308-30060816	0	0	0	1
XLOC_013917	FOX51	chr20:30432102-30433420	0	0	0	1
XLOC_013925	SUN5	chr20:31571580-31592239	0	0	0	1
XLOC_013935	HMGB3P1	chr20:33421377-33422265	0	0	0	1
XLOC_013938	MIR499B	chr20:33543703-33680618	0	0	0	1
XLOC_013945	C20orf173	chr20:34108569-34117481	0	0	0	1
XLOC_013958	GHRH	chr20:35879489-35885299	0	0	0	1
XLOC_013960	LINC00489	chr20:36247699-36251521	0	0	0	1
XLOC_013969	LOC339568	chr20:37842423-37853391	0	0	0	1
XLOC_013974	PTPRT	chr20:40701391-41818557	0	0	0	1
XLOC_013975	GTSF1L	chr20:42354800-42355642	0	0	0	1
XLOC_013985	KCNS1	chr20:43720949-43729753	0	0	0	1
XLOC_013987	WFDC12	chr20:43752066-43753106	0	0	0	1
XLOC_013988	SLPI	chr20:43880878-43883206	0	0	0	1
XLOC_013992	SPINT3	chr20:44141100-44144264	0	0	0	1
XLOC_013993	EPPIN,EPPIN-WFDC6,WFD	chr20:44162835-44176065	0	0	0	1
XLOC_013994	WFDC8	chr20:44179790-44207965	0	0	0	1
XLOC_013995	WFDC9	chr20:44236577-44259907	0	0	0	1
XLOC_013996	WFDC11	chr20:44277201-44298878	0	0	0	1
XLOC_014006	CDH22	chr20:44802371-44937137	0	0	0	1
XLOC_014009	ZNF663	chr20:45085131-45086282	0	0	0	1
XLOC_014010	MKRN7P	chr20:45092298-45093931	0	0	0	1
XLOC_014011	ZNF334	chr20:45128268-45142198	0	0	0	1
XLOC_014012	OCSTAMP	chr20:45169669-45179213	0	0	0	1
XLOC_014019	KCNB1	chr20:47988504-48099181	0	0	0	1
XLOC_014020	PTGIS	chr20:48120410-48184707	0	0	0	1
XLOC_014023	LINC00651	chr20:48657243-48658166	0	0	0	1
XLOC_014028	KCNG1	chr20:49620192-49639675	0	0	0	1

XLOC_014030	MIR3194	chr20:50003493-50179370	0	0	0	1
XLOC_014032	SALL4	chr20:50400582-50419048	0	0	0	1
XLOC_014035	SUMO1P1	chr20:52491039-52492248	0	0	0	1
XLOC_014037	MIR4756	chr20:52560078-52687304	0	0	0	1
XLOC_014038	CYP24A1	chr20:52769987-52790516	0	0	0	1
XLOC_014039	CBLN4	chr20:54572412-54580528	0	0	0	1
XLOC_014042	BMP7	chr20:55743808-55841707	0	0	0	1
XLOC_014043	MIR4325	chr20:55896557-55896647	0	0	0	1
XLOC_014046	ZBP1	chr20:56178901-56195632	0	0	0	1
XLOC_014049	APCDD1L	chr20:57034425-57089949	0	0	0	1
XLOC_014050	MIR296	chr20:57392669-57392749	0	0	0	1
XLOC_014051	MIR298	chr20:57393280-57393368	0	0	0	1
XLOC_014055	LOC100506384	chr20:58152563-58422766	0	0	0	1
XLOC_014058	MIR1257	chr20:60528601-60528718	0	0	0	1
XLOC_014064	RBBP8NL	chr20:60985292-61002629	0	0	0	1
XLOC_014065	GATA5	chr20:61038552-61051026	0	0	0	1
XLOC_014066	C20orf166-AS1	chr20:61141437-61167971	0	0	0	1
XLOC_014071	BHLHE23	chr20:61637330-61638387	0	0	0	1
XLOC_014073	HAR1B	chr20:61726844-61735737	0	0	0	1
XLOC_014076	CHRNA4	chr20:61974661-61992748	0	0	0	1
XLOC_014077	KCNQ2	chr20:62037541-62103993	0	0	0	1
XLOC_014087	MIR1914	chr20:62571181-62601223	0	0	0	1
XLOC_014088	MIR647	chr20:62571181-62601223	0	0	0	1
XLOC_014091	SOX18	chr20:62679078-62680979	0	0	0	1
XLOC_014093	C20orf201	chr20:62711470-62731996	0	0	0	1
XLOC_014094	NPBWR2	chr20:62737182-62738184	0	0	0	1
XLOC_014095	MIR3648	chr21:9825831-9826011	0	0	0	1
XLOC_014096	MIR3687	chr21:9826202-9826263	0	0	0	1
XLOC_014098	POTED	chr21:14982497-15013906	0	0	0	1
XLOC_014099	RBM11	chr21:15588465-15600693	0	0	0	1
XLOC_014101	SAMSN1-AS1	chr21:15857548-16015428	0	0	0	1
XLOC_014103	LINC00478	chr21:17442841-17982094	0	0	0	1
XLOC_014104	MIR99A	chr21:17442841-17982094	0	0	0	1
XLOC_014105	MIRLET7C	chr21:17442841-17982094	0	0	0	1
XLOC_014106	MIR125B2	chr21:17442841-17982094	0	0	0	1
XLOC_014107	C21orf37	chr21:18811207-18821503	0	0	0	1
XLOC_014110	NCAM2	chr21:22370632-22912517	0	0	0	1
XLOC_014111	RNU6-67	chr21:22370632-22912517	0	0	0	1
XLOC_014112	LINC00308	chr21:23470935-23488847	0	0	0	1
XLOC_014113	LOC339622	chr21:26212863-26430056	0	0	0	1
XLOC_014117	MIR4759	chr21:28290230-28339439	0	0	0	1
XLOC_014118	LINC00113	chr21:28659821-29283529	0	0	0	1
XLOC_014119	LINC00314	chr21:29385681-29395528	0	0	0	1
XLOC_014126	GRIK1-AS1	chr21:30909253-31312282	0	0	0	1
XLOC_014127	KRTAP13-1	chr21:31768391-31769138	0	0	0	1
XLOC_014128	KRTAP13-4	chr21:31802593-31803076	0	0	0	1
XLOC_014129	KRTAP15-1	chr21:31812645-31813098	0	0	0	1
XLOC_014130	KRTAP6-3	chr21:31964758-31965374	0	0	0	1
XLOC_014131	KRTAP22-1	chr21:31973439-31973586	0	0	0	1
XLOC_014132	KRTAP20-1	chr21:31988773-31988944	0	0	0	1
XLOC_014133	KRTAP20-4	chr21:31992945-31993169	0	0	0	1
XLOC_014134	KRTAP20-2	chr21:32007582-32007780	0	0	0	1
XLOC_014135	KRTAP20-3	chr21:32015182-32015455	0	0	0	1
XLOC_014143	OLIG2	chr21:34398215-34401503	0	0	0	1
XLOC_014144	OLIG1	chr21:34442449-34444728	0	0	0	1
XLOC_014156	CLIC6	chr21:36041687-36090519	0	0	0	1
XLOC_014158	MIR802	chr21:37093012-37093106	0	0	0	1
XLOC_014169	DSCR8	chr21:39493544-39528605	0	0	0	1
XLOC_014170	DSCR10	chr21:39578249-39580738	0	0	0	1
XLOC_014173	BRWD1-AS1	chr21:40687632-40695144	0	0	0	1
XLOC_014176	B3GALT5	chr21:41029253-41034815	0	0	0	1
XLOC_014177	IGSF5	chr21:41117333-41174023	0	0	0	1
XLOC_014178	PCP4	chr21:41239346-41301322	0	0	0	1
XLOC_014179	DSCAM-AS1	chr21:41384342-42219039	0	0	0	1
XLOC_014180	MIR3197	chr21:42539483-42539556	0	0	0	1
XLOC_014185	LINC00111	chr21:43099461-43117496	0	0	0	1
XLOC_014186	LINC00112	chr21:43136595-43137742	0	0	0	1
XLOC_014189	ABCG1	chr21:43619798-43717354	0	0	0	1
XLOC_014190	UBASH3A	chr21:43823970-43867790	0	0	0	1
XLOC_014192	PDE9A	chr21:44073861-44195618	0	0	0	1
XLOC_014195	CRYAA	chr21:44589140-44592913	0	0	0	1
XLOC_014204	AIRE	chr21:45705720-45718102	0	0	0	1
XLOC_014206	TRPM2	chr21:45773483-45862964	0	0	0	1
XLOC_014209	KRTAP10-4	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014210	KRTAP10-7	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014211	KRTAP10-8	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014212	KRTAP10-9	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014213	KRTAP10-10	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014214	KRTAP10-11	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1

XLOC_014215	KRTAP12-3	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014216	KRTAP10-12	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014224	COL6A2	chr21:47518032-47552763	0	0	0	1
XLOC_014232	TPTE	chr21:10906742-10990920	0	0	0	1
XLOC_014233	BAGE3,BAGE4,BAGf	chr21:11020841-11098937	0	0	0	1
XLOC_014234	MIR3156-3	chr21:14778704-14778781	0	0	0	1
XLOC_014236	ANKRD20A11P	chr21:15316095-15352765	0	0	0	1
XLOC_014237	LIPI	chr21:15481134-15579254	0	0	0	1
XLOC_014239	SAMSN1	chr21:15857548-16015428	0	0	0	1
XLOC_014240	LOC388813	chr21:15857548-16015428	0	0	0	1
XLOC_014244	CHODL-AS1	chr21:19207988-19257925	0	0	0	1
XLOC_014245	TMPRSS15	chr21:19641432-19775970	0	0	0	1
XLOC_014246	LINC00320	chr21:22114912-22175426	0	0	0	1
XLOC_014247	LINC00317	chr21:23095612-23109639	0	0	0	1
XLOC_014248	D21S2088E	chr21:24733425-24757156	0	0	0	1
XLOC_014255	ADAMTS1	chr21:28208605-28217728	0	0	0	1
XLOC_014256	ADAMTS5	chr21:28290230-28339439	0	0	0	1
XLOC_014257	MIR5009	chr21:28659821-29283529	0	0	0	1
XLOC_014263	CLDN17	chr21:31538240-31538971	0	0	0	1
XLOC_014264	LINC00307	chr21:31581468-31584101	0	0	0	1
XLOC_014265	CLDN8	chr21:31586323-31588469	0	0	0	1
XLOC_014266	KRTAP24-1	chr21:31653626-31655276	0	0	0	1
XLOC_014267	KRTAP25-1	chr21:31661462-31661832	0	0	0	1
XLOC_014268	KRTAP26-1	chr21:31691449-31692607	0	0	0	1
XLOC_014269	KRTAP27-1	chr21:31709330-31710012	0	0	0	1
XLOC_014270	KRTAP23-1	chr21:31720716-31720924	0	0	0	1
XLOC_014271	KRTAP13-2	chr21:31743708-31744557	0	0	0	1
XLOC_014272	MIR4327	chr21:31747611-31747696	0	0	0	1
XLOC_014273	KRTAP13-3	chr21:31797710-31798230	0	0	0	1
XLOC_014274	KRTAP19-1	chr21:31852363-31852636	0	0	0	1
XLOC_014275	KRTAP19-2	chr21:31859508-31859667	0	0	0	1
XLOC_014276	KRTAP19-3	chr21:31863781-31864275	0	0	0	1
XLOC_014277	KRTAP19-4	chr21:31869173-31869428	0	0	0	1
XLOC_014278	KRTAP19-5	chr21:31874189-31874408	0	0	0	1
XLOC_014279	KRTAP19-6	chr21:31913853-31914181	0	0	0	1
XLOC_014280	KRTAP19-7	chr21:31933416-31933608	0	0	0	1
XLOC_014281	KRTAP22-2	chr21:31962423-31962716	0	0	0	1
XLOC_014282	KRTAP6-2	chr21:31971004-31971193	0	0	0	1
XLOC_014283	KRTAP6-1	chr21:31986004-31986223	0	0	0	1
XLOC_014284	KRTAP21-3	chr21:32090842-32091095	0	0	0	1
XLOC_014285	KRTAP21-2	chr21:32119268-32119520	0	0	0	1
XLOC_014286	KRTAP21-1	chr21:32127456-32127696	0	0	0	1
XLOC_014287	KRTAP8-1	chr21:32185014-32185570	0	0	0	1
XLOC_014288	KRTAP7-1	chr21:32201357-32202051	0	0	0	1
XLOC_014289	KRTAP11-1	chr21:32252963-32253874	0	0	0	1
XLOC_014290	KRTAP19-8	chr21:32410477-32410795	0	0	0	1
XLOC_014293	LINC00159	chr21:33452793-33458608	0	0	0	1
XLOC_014302	C21orf54	chr21:34537775-34542541	0	0	0	1
XLOC_014312	LINC00160	chr21:36096104-36109479	0	0	0	1
XLOC_014315	LOC100506403	chr21:36744804-36953062	0	0	0	1
XLOC_014323	KCNJ6	chr21:38996784-39288741	0	0	0	1
XLOC_014324	DSCR4	chr21:39426312-39493454	0	0	0	1
XLOC_014325	ERG	chr21:39739182-40033704	0	0	0	1
XLOC_014326	LINC00114	chr21:40110878-40145401	0	0	0	1
XLOC_014332	C21orf88	chr21:40969074-40984749	0	0	0	1
XLOC_014333	DSCAM	chr21:41384342-42219039	0	0	0	1
XLOC_014334	MIR4760	chr21:41384342-42219039	0	0	0	1
XLOC_014335	DSCAM-IT1	chr21:41384342-42219039	0	0	0	1
XLOC_014336	LINC00323	chr21:42513426-42519991	0	0	0	1
XLOC_014338	TMPRSS2	chr21:42836477-42880085	0	0	0	1
XLOC_014339	LINC00479	chr21:43131679-43135935	0	0	0	1
XLOC_014344	C21orf128	chr21:43483067-43563105	0	0	0	1
XLOC_014345	TFF3	chr21:43731776-43735706	0	0	0	1
XLOC_014346	TFF2	chr21:43766466-43771208	0	0	0	1
XLOC_014347	TFF1	chr21:43782390-43786644	0	0	0	1
XLOC_014348	TMPRSS3	chr21:43791995-43816955	0	0	0	1
XLOC_014359	DNMT3L	chr21:45666221-45682099	0	0	0	1
XLOC_014363	KRTAP10-1	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014364	KRTAP10-2	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014365	KRTAP10-3	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014366	KRTAP10-5	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014367	KRTAP10-6	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014368	KRTAP12-4	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014369	KRTAP12-2	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014370	KRTAP12-1	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014383	LOC100129027	chr21:47247754-47256333	0	0	0	1
XLOC_014389	S100B	chr21:48018530-48025035	0	0	0	1
XLOC_014391	TPTEP1	chr22:17082800-17129720	0	0	0	1
XLOC_014392	HSFY1P1	chr22:17308363-17310225	0	0	0	1

XLOC_014399	FLJ41941	chr22:18512150-18520734	0	0	0	1
XLOC_014414	MIR185	chr22:20008630-20053447	0	0	0	1
XLOC_014423	POM121L4P	chr22:21043842-21046009	0	0	0	1
XLOC_014425	SERPIND1	chr22:21061978-21213100	0	0	0	1
XLOC_014432	LOC400891	chr22:21400248-21418457	0	0	0	1
XLOC_014441	MIR301B	chr22:22007269-22007347	0	0	0	1
XLOC_014442	MIR130B	chr22:22007592-22007674	0	0	0	1
XLOC_014444	VPREB1	chr22:22599199-22599926	0	0	0	1
XLOC_014448	MIR650	chr22:23165269-23165365	0	0	0	1
XLOC_014449	IGLL5	chr22:23229959-23238013	0	0	0	1
XLOC_014455	C22orf15	chr22:24105207-24110141	0	0	0	1
XLOC_014468	UPB1	chr22:244891250-24922553	0	0	0	1
XLOC_014472	TOP1P2	chr22:25115000-25170687	0	0	0	1
XLOC_014477	IGLL3P	chr22:25714223-25716193	0	0	0	1
XLOC_014481	SEZ6L	chr22:26565439-26779563	0	0	0	1
XLOC_014484	CRYBA4	chr22:27017927-27026636	0	0	0	1
XLOC_014487	MIR3199-2	chr22:28315363-29075853	0	0	0	1
XLOC_014496	NEFH	chr22:29876180-29887277	0	0	0	1
XLOC_014508	MIR3200	chr22:31090792-31303811	0	0	0	1
XLOC_014520	AP1B1P1	chr22:32517963-32529456	0	0	0	1
XLOC_014524	TIMP3	chr22:32908539-33454377	0	0	0	1
XLOC_014526	ISX	chr22:35462129-35483380	0	0	0	1
XLOC_014529	MIR3909	chr22:35695267-35743987	0	0	0	1
XLOC_014534	APOL5	chr22:36113918-36125529	0	0	0	1
XLOC_014537	CSF2RB	chr22:37309674-37336479	0	0	0	1
XLOC_014538	LOC100506241	chr22:37361288-37364213	0	0	0	1
XLOC_014555	MIR4534	chr22:38384800-38384860	0	0	0	1
XLOC_014568	SYNGR1	chr22:39745953-39781593	0	0	0	1
XLOC_014570	MGAT3	chr22:39853324-39888199	0	0	0	1
XLOC_014583	MIR1281	chr22:41488516-41488570	0	0	0	1
XLOC_014595	MIR33A	chr22:42229105-42302375	0	0	0	1
XLOC_014608	MPPED1	chr22:43808019-43902800	0	0	0	1
XLOC_014609	EFCAB6-AS1	chr22:43912133-44208217	0	0	0	1
XLOC_014614	LINC00207	chr22:44965219-44968329	0	0	0	1
XLOC_014617	UPK3A	chr22:45680867-45691755	0	0	0	1
XLOC_014622	MIR4762	chr22:46067677-46241187	0	0	0	1
XLOC_014626	MIR3619	chr22:46481876-46509808	0	0	0	1
XLOC_014633	MIR3201	chr22:48670175-48670227	0	0	0	1
XLOC_014635	MIR4535	chr22:49176106-49176165	0	0	0	1
XLOC_014636	LOC100128946	chr22:49262581-49294198	0	0	0	1
XLOC_014641	PANX2	chr22:50609159-50618724	0	0	0	1
XLOC_014646	MIOX	chr22:50925212-50928750	0	0	0	1
XLOC_014654	POTEH	chr22:16256331-16287937	0	0	0	1
XLOC_014655	OR11H1	chr22:16448823-16449804	0	0	0	1
XLOC_014657	ANKRD62P1-PARP4P3	chr22:17134598-17156430	0	0	0	1
XLOC_014659	GAB4	chr22:17442826-17489112	0	0	0	1
XLOC_014662	CECR1	chr22:17660191-17690779	0	0	0	1
XLOC_014663	CECR3	chr22:17737749-17747623	0	0	0	1
XLOC_014666	MIR3198-1	chr22:18216905-18257431	0	0	0	1
XLOC_014668	MIR648	chr22:18270415-18507325	0	0	0	1
XLOC_014673	GSC2	chr22:19136503-19137796	0	0	0	1
XLOC_014679	CLDN5	chr22:19510546-19512860	0	0	0	1
XLOC_014680	LOC150185	chr22:19553652-19554362	0	0	0	1
XLOC_014685	LOC388849	chr22:20136108-20137431	0	0	0	1
XLOC_014686	LOC284865	chr22:20186252-20192441	0	0	0	1
XLOC_014688	MIR1286	chr22:20228937-20255816	0	0	0	1
XLOC_014697	SLC7A4	chr22:21383006-21386847	0	0	0	1
XLOC_014698	P2RX6P	chr22:21396680-21398538	0	0	0	1
XLOC_014706	ZNF280B	chr22:22838771-22863505	0	0	0	1
XLOC_014711	CESSAP1	chr22:23701792-23724313	0	0	0	1
XLOC_014713	IGLL1	chr22:23915312-23922495	0	0	0	1
XLOC_014723	GSTTP1	chr22:24340594-24347258	0	0	0	1
XLOC_014725	GSTTP2	chr22:24385937-24401899	0	0	0	1
XLOC_014726	GGT5	chr22:24615621-24641110	0	0	0	1
XLOC_014733	LOC100128531	chr22:25423940-25593415	0	0	0	1
XLOC_014738	MIR548J	chr22:26921713-26986089	0	0	0	1
XLOC_014739	CRYBB1	chr22:26995361-27013991	0	0	0	1
XLOC_014742	MIR3199-1	chr22:28315363-29075853	0	0	0	1
XLOC_014747	C22orf31	chr22:29454659-29457907	0	0	0	1
XLOC_014751	MIR3653	chr22:29723668-29784572	0	0	0	1
XLOC_014765	SDC4P	chr22:30877276-30877743	0	0	0	1
XLOC_014767	SEC14L6	chr22:30920916-30942669	0	0	0	1
XLOC_014774	MIR3928	chr22:31556047-31556105	0	0	0	1
XLOC_014781	C22orf42	chr22:32545518-32555243	0	0	0	1
XLOC_014786	BPIFC	chr22:32809833-32853373	0	0	0	1
XLOC_014787	SYN3	chr22:32908539-33454377	0	0	0	1
XLOC_014789	MIR4764	chr22:33669061-34316416	0	0	0	1
XLOC_014790	MB	chr22:36002810-36019401	0	0	0	1
XLOC_014792	APOL3	chr22:36536370-36562225	0	0	0	1

XLOC_014799	CACNG2	chr22:36956915-37098690	0	0	0	1
XLOC_014801	PVALB	chr22:37196744-37215517	0	0	0	1
XLOC_014802	TEX33	chr22:37387159-37403877	0	0	0	1
XLOC_014805	IL2RB	chr22:37521879-37545962	0	0	0	1
XLOC_014807	SSTR3	chr22:37602244-37608353	0	0	0	1
XLOC_014809	ELFN2	chr22:37763999-37823505	0	0	0	1
XLOC_014812	LGALS2	chr22:37966252-37976024	0	0	0	1
XLOC_014814	MIR659	chr22:38243684-38243781	0	0	0	1
XLOC_014816	SOX10	chr22:38368318-38380539	0	0	0	1
XLOC_014837	RNU86	chr22:39708886-39715670	0	0	0	1
XLOC_014838	SNORD43	chr22:39708886-39715670	0	0	0	1
XLOC_014840	ENTHD1	chr22:40139048-40289794	0	0	0	1
XLOC_014843	MIR4766	chr22:41165638-41215392	0	0	0	1
XLOC_014867	ATP5L2	chr22:43013845-43045405	0	0	0	1
XLOC_014868	A4GALT	chr22:43088126-43116876	0	0	0	1
XLOC_014876	SULT4A1	chr22:44220386-44258378	0	0	0	1
XLOC_014877	PNPLA5	chr22:44275557-44287893	0	0	0	1
XLOC_014880	LINC00229	chr22:45002207-45021299	0	0	0	1
XLOC_014881	PHF21B	chr22:45277042-45405809	0	0	0	1
XLOC_014884	MIR1249	chr22:45588122-45636650	0	0	0	1
XLOC_014894	FLJ46257	chr22:48016791-48027318	0	0	0	1
XLOC_014895	LOC284933	chr22:48885287-49147744	0	0	0	1
XLOC_014915	CHL1	chr3:238278-451097	0	0	0	1
XLOC_014916	CNTN6	chr3:1134628-1445278	0	0	0	1
XLOC_014919	LRRN1	chr3:3841120-3889387	0	0	0	1
XLOC_014925	GRM7	chr3:6902801-7783218	0	0	0	1
XLOC_014928	CAV3	chr3:8775485-8788451	0	0	0	1
XLOC_014947	SLC6A11	chr3:10857916-10980146	0	0	0	1
XLOC_014951	SYN2	chr3:12045861-12233532	0	0	0	1
XLOC_014952	PPARG	chr3:12329348-12475855	0	0	0	1
XLOC_014959	FGD5P1	chr3:13974552-13978444	0	0	0	1
XLOC_014972	MIR563	chr3:15915277-15915356	0	0	0	1
XLOC_014976	LOC339862	chr3:18004063-18310410	0	0	0	1
XLOC_014981	VENTXP7	chr3:21447217-21448177	0	0	0	1
XLOC_014982	UBE2E2	chr3:23244783-23648882	0	0	0	1
XLOC_014983	MIR548AC	chr3:23244783-23648882	0	0	0	1
XLOC_014987	THRBS-AS1	chr3:24158644-24541502	0	0	0	1
XLOC_014990	LRRRC3B	chr3:26664299-26752265	0	0	0	1
XLOC_014993	LINC00693	chr3:28616768-28799828	0	0	0	1
XLOC_014994	RBMS3	chr3:29322802-30051886	0	0	0	1
XLOC_014997	OSBPL10-AS1	chr3:31702316-32033228	0	0	0	1
XLOC_015003	TRIM71	chr3:32859509-32933771	0	0	0	1
XLOC_015004	CCR4	chr3:32993065-32996403	0	0	0	1
XLOC_015008	ARPP21	chr3:35680665-35835988	0	0	0	1
XLOC_015009	MIR128-2	chr3:35680665-35835988	0	0	0	1
XLOC_015010	STAC	chr3:36422096-36589496	0	0	0	1
XLOC_015011	MLH1	chr3:37034840-37092337	0	0	0	1
XLOC_015016	MIR26A1	chr3:37903668-38025960	0	0	0	1
XLOC_015021	SLC22A13	chr3:38307297-38319806	0	0	0	1
XLOC_015028	CCR8	chr3:39371196-39375171	0	0	0	1
XLOC_015033	MOBP	chr3:39509069-39567857	0	0	0	1
XLOC_015036	ENTPD3	chr3:40428672-40494799	0	0	0	1
XLOC_015047	KLHL40	chr3:42727010-42733938	0	0	0	1
XLOC_015048	CCDC13-AS1	chr3:42749873-42814745	0	0	0	1
XLOC_015050	ZNF662	chr3:42947401-42960825	0	0	0	1
XLOC_015051	KRBOX1	chr3:42977833-42984283	0	0	0	1
XLOC_015055	MIR138-1	chr3:44155703-44155802	0	0	0	1
XLOC_015056	TOPAZ1	chr3:44283377-44373590	0	0	0	1
XLOC_015074	CCR3	chr3:46283871-46308197	0	0	0	1
XLOC_015075	CCR2	chr3:46395234-46402413	0	0	0	1
XLOC_015076	CCR5	chr3:46411632-46417697	0	0	0	1
XLOC_015078	RTP3	chr3:46539484-46542439	0	0	0	1
XLOC_015079	LRRRC2-AS1	chr3:46556877-46608040	0	0	0	1
XLOC_015081	LOC100132146	chr3:46653924-46668033	0	0	0	1
XLOC_015090	MIR1226	chr3:47844398-47891686	0	0	0	1
XLOC_015091	MIR4443	chr3:48238053-48238106	0	0	0	1
XLOC_015092	CAMP	chr3:48264836-48266981	0	0	0	1
XLOC_015103	MIR4271	chr3:49306029-49314508	0	0	0	1
XLOC_015114	SLC38A3	chr3:50242691-50258406	0	0	0	1
XLOC_015121	MIR4787	chr3:50712510-50712594	0	0	0	1
XLOC_015128	IQCF4	chr3:51851618-51853651	0	0	0	1
XLOC_015129	IQCF3	chr3:51860898-51864874	0	0	0	1
XLOC_015130	IQCF2	chr3:51895644-51897440	0	0	0	1
XLOC_015143	SNORD19	chr3:52719935-52742197	0	0	0	1
XLOC_015144	SNORD19B	chr3:52719935-52742197	0	0	0	1
XLOC_015145	SNORD69	chr3:52719935-52742197	0	0	0	1
XLOC_015147	ITIH1	chr3:52811601-52826084	0	0	0	1
XLOC_015152	CACNA2D3	chr3:54156692-55108584	0	0	0	1
XLOC_015154	ARHGEF3-AS1	chr3:56761445-57113336	0	0	0	1

XLOC_015166	LINC00698	chr3:63088363-63110737	0	0	0	1
XLOC_015167	SYNPR	chr3:63263913-63602597	0	0	0	1
XLOC_015168	SNTN	chr3:63638343-63650891	0	0	0	1
XLOC_015172	PRICKLE2-AS1	chr3:64053639-64211131	0	0	0	1
XLOC_015173	PRICKLE2-AS2	chr3:64053639-64211131	0	0	0	1
XLOC_015175	ADAMTS9-AS2	chr3:64501330-64997143	0	0	0	1
XLOC_015176	MIR548A2	chr3:64501330-64997143	0	0	0	1
XLOC_015177	MAGI1-AS1	chr3:65339905-66024509	0	0	0	1
XLOC_015180	MIR4272	chr3:67275887-67275951	0	0	0	1
XLOC_015184	GPR27	chr3:71728439-71804328	0	0	0	1
XLOC_015185	LOC201617	chr3:72200407-72223490	0	0	0	1
XLOC_015189	MIR4444-1	chr3:75263626-75263699	0	0	0	1
XLOC_015190	MIR1324	chr3:75679913-75680009	0	0	0	1
XLOC_015193	MIR4273	chr3:75786028-75834255	0	0	0	1
XLOC_015194	ROBO2	chr3:77089293-77699114	0	0	0	1
XLOC_015195	CADM2	chr3:85008132-86123579	0	0	0	1
XLOC_015196	MIR5688	chr3:85008132-86123579	0	0	0	1
XLOC_015198	HTR1F	chr3:88031725-88042919	0	0	0	1
XLOC_015204	LOC255025	chr3:94657106-94710169	0	0	0	1
XLOC_015205	EPHA6	chr3:96533424-97467786	0	0	0	1
XLOC_015208	OR5AC2	chr3:97806016-97806946	0	0	0	1
XLOC_015209	OR5H1	chr3:97851541-97852483	0	0	0	1
XLOC_015210	OR5H14	chr3:97868229-97869162	0	0	0	1
XLOC_015211	OR5H15	chr3:97887543-97888485	0	0	0	1
XLOC_015212	OR5H6	chr3:97983128-97984106	0	0	0	1
XLOC_015213	OR5H2	chr3:98001731-98002676	0	0	0	1
XLOC_015214	OR5K4	chr3:98072697-98073663	0	0	0	1
XLOC_015215	OR5K3	chr3:98109509-98110475	0	0	0	1
XLOC_015216	OR5K1	chr3:98188420-98189372	0	0	0	1
XLOC_015218	GPR15	chr3:98250742-98251994	0	0	0	1
XLOC_015219	ST3GAL6	chr3:98433176-98514689	0	0	0	1
XLOC_015220	COL8A1	chr3:99273152-99897476	0	0	0	1
XLOC_015227	GPR128	chr3:100328432-10041432	0	0	0	1
XLOC_015245	TRAT1	chr3:108541630-10857371	0	0	0	1
XLOC_015246	FLJ22763	chr3:108855560-10886895	0	0	0	1
XLOC_015247	LINC00488	chr3:108897011-10890410	0	0	0	1
XLOC_015248	FLJ25363	chr3:109128836-10921401	0	0	0	1
XLOC_015256	MIR567	chr3:111805181-11183707	0	0	0	1
XLOC_015261	WDR52-AS1	chr3:112931374-11316036	0	0	0	1
XLOC_015262	SIDT1	chr3:113251217-11334842	0	0	0	1
XLOC_015263	MIR4446	chr3:113251217-11334842	0	0	0	1
XLOC_015268	TIGIT	chr3:114012832-11402913	0	0	0	1
XLOC_015269	ZBTB20-AS1	chr3:114056946-11486612	0	0	0	1
XLOC_015270	GAP43	chr3:115342150-11544033	0	0	0	1
XLOC_015271	LSAMP-AS3	chr3:116428634-11643588	0	0	0	1
XLOC_015272	IGSF11-AS1	chr3:118619478-11886489	0	0	0	1
XLOC_015273	C3orf30	chr3:118864996-11887030	0	0	0	1
XLOC_015279	PLA1A	chr3:119316694-11934865	0	0	0	1
XLOC_015280	MAATS1	chr3:119421868-11948594	0	0	0	1
XLOC_015281	NR112	chr3:119499330-11953733	0	0	0	1
XLOC_015286	FBXO40	chr3:121312169-12134913	0	0	0	1
XLOC_015289	CD86	chr3:121774208-12183998	0	0	0	1
XLOC_015290	CASR	chr3:121902529-12200534	0	0	0	1
XLOC_015294	PARP15	chr3:122296448-12235553	0	0	0	1
XLOC_015302	MIR5002	chr3:123813557-12444003	0	0	0	1
XLOC_015305	ROPN1B	chr3:125688027-12570229	0	0	0	1
XLOC_015306	ALDH1L1-AS1	chr3:125822403-12592901	0	0	0	1
XLOC_015307	ALDH1L1-AS2	chr3:125822403-12592901	0	0	0	1
XLOC_015310	NUP210P1	chr3:126380923-12639078	0	0	0	1
XLOC_015319	DNAJB8-AS1	chr3:128181274-12819116	0	0	0	1
XLOC_015320	LOC90246	chr3:128226677-12822942	0	0	0	1
XLOC_015323	EFCC1	chr3:128720471-12875958	0	0	0	1
XLOC_015324	GP9	chr3:128779644-12878125	0	0	0	1
XLOC_015329	RHO	chr3:129247481-12925418	0	0	0	1
XLOC_015330	H1FOO	chr3:129262056-12927020	0	0	0	1
XLOC_015332	TRH	chr3:129693113-12969677	0	0	0	1
XLOC_015334	COL6A4P2	chr3:129931662-12999264	0	0	0	1
XLOC_015335	COL6A5	chr3:130064358-13020368	0	0	0	1
XLOC_015341	ACPP	chr3:132036210-13208714	0	0	0	1
XLOC_015345	NPHP3-AS1	chr3:132276981-13259305	0	0	0	1
XLOC_015346	TMEM108	chr3:132757170-13311661	0	0	0	1
XLOC_015347	BFSP2	chr3:133118789-13319405	0	0	0	1
XLOC_015351	MIR4788	chr3:134156668-13415674	0	0	0	1
XLOC_015359	SOX14	chr3:137483133-13748517	0	0	0	1
XLOC_015366	BPESC1	chr3:138823026-13884400	0	0	0	1
XLOC_015368	CLSTN2	chr3:139654026-14028691	0	0	0	1
XLOC_015369	TRIM42	chr3:140396865-14041999	0	0	0	1
XLOC_015371	SPSB4	chr3:140770742-14086745	0	0	0	1
XLOC_015380	LOC100507389	chr3:142645516-14266137	0	0	0	1

XLOC_015382	CHST2	chr3:142838617-142842856	0	0	0	1
XLOC_015383	SLC9A9-AS1	chr3:142984063-143567371	0	0	0	1
XLOC_015385	ZIC1	chr3:147127180-147134506	0	0	0	1
XLOC_015386	AGTR1	chr3:148415657-148460790	0	0	0	1
XLOC_015387	CPB1	chr3:148545587-148577972	0	0	0	1
XLOC_015388	CPA3	chr3:148583042-148614872	0	0	0	1
XLOC_015390	HLTF-AS1	chr3:148747903-148820610	0	0	0	1
XLOC_015392	TM4SF4	chr3:149192367-149221181	0	0	0	1
XLOC_015399	CLRN1-AS1	chr3:150643949-150797617	0	0	0	1
XLOC_015400	MED12L	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_015401	MIR548H2	chr3:151347319-151546276	0	0	0	1
XLOC_015402	AADAACL2	chr3:151347319-151546276	0	0	0	1
XLOC_015404	AADAC	chr3:151347319-151546276	0	0	0	1
XLOC_015405	SUCNR1	chr3:151591430-151599876	0	0	0	1
XLOC_015409	C3orf79	chr3:153202283-153220486	0	0	0	1
XLOC_015411	MME	chr3:154797435-154901516	0	0	0	1
XLOC_015416	LOC100498859	chr3:156799455-156840791	0	0	0	1
XLOC_015417	PTX3	chr3:156977531-157221416	0	0	0	1
XLOC_015424	MIR3919	chr3:158787040-159615151	0	0	0	1
XLOC_015426	C3orf80	chr3:159943422-159946000	0	0	0	1
XLOC_015428	MIR15B	chr3:160117429-160152741	0	0	0	1
XLOC_015429	MIR16-2	chr3:160117429-160152741	0	0	0	1
XLOC_015430	ARL14	chr3:160394947-160396231	0	0	0	1
XLOC_015433	OTOL1	chr3:161214595-161221730	0	0	0	1
XLOC_015435	LOC646168	chr3:167613735-167641797	0	0	0	1
XLOC_015437	MIR551B	chr3:167967309-168548374	0	0	0	1
XLOC_015440	SAMD7	chr3:169629481-169656946	0	0	0	1
XLOC_015449	NLGN1	chr3:173116243-174001116	0	0	0	1
XLOC_015450	NAALADL2	chr3:174577110-175523426	0	0	0	1
XLOC_015451	MIR4789	chr3:174577110-175523426	0	0	0	1
XLOC_015470	ABCC5-AS1	chr3:183637723-183735727	0	0	0	1
XLOC_015471	HTR3D	chr3:183749331-183757157	0	0	0	1
XLOC_015472	HTR3C	chr3:183770834-183778461	0	0	0	1
XLOC_015473	HTR3E	chr3:183814851-183824783	0	0	0	1
XLOC_015479	MIR1224	chr3:183948316-183967311	0	0	0	1
XLOC_015483	SNORD66	chr3:184032282-184053146	0	0	0	1
XLOC_015487	EPHB3	chr3:184279586-184300196	0	0	0	1
XLOC_015489	EHHADH-AS1	chr3:184880688-184971886	0	0	0	1
XLOC_015493	LOC344887	chr3:185677757-185698661	0	0	0	1
XLOC_015497	HRG	chr3:186383797-186396023	0	0	0	1
XLOC_015498	KNG1	chr3:186435097-186462196	0	0	0	1
XLOC_015500	SNORD2	chr3:186501360-186524448	0	0	0	1
XLOC_015504	ADIPOQ	chr3:186560462-186576257	0	0	0	1
XLOC_015506	RTP1	chr3:186915273-186919253	0	0	0	1
XLOC_015507	RTP4	chr3:187086167-187089366	0	0	0	1
XLOC_015508	LOC100131635	chr3:187416046-187463511	0	0	0	1
XLOC_015512	TP63	chr3:189349215-189615066	0	0	0	1
XLOC_015513	MIR944	chr3:189349215-189615066	0	0	0	1
XLOC_015516	SNAR-I	chr3:190595718-190595836	0	0	0	1
XLOC_015517	OSTN	chr3:190930321-190967910	0	0	0	1
XLOC_015519	PYDC2	chr3:191178951-191179241	0	0	0	1
XLOC_015527	LOC100507391	chr3:194429149-194502897	0	0	0	1
XLOC_015529	MIR570	chr3:195426271-195426366	0	0	0	1
XLOC_015531	LOC401109	chr3:195869506-195887761	0	0	0	1
XLOC_015545	FAM157A	chr3:197879236-197907726	0	0	0	1
XLOC_015546	CNTN4-AS2	chr3:2140549-3099645	0	0	0	1
XLOC_015547	IL5RA	chr3:3108007-3152058	0	0	0	1
XLOC_015552	MIR4790	chr3:5291861-5291940	0	0	0	1
XLOC_015568	FANCD2OS	chr3:10068112-10149915	0	0	0	1
XLOC_015572	MIR885	chr3:10365706-10547268	0	0	0	1
XLOC_015573	LINC00606	chr3:10801168-10805877	0	0	0	1
XLOC_015574	SLC6A1-AS1	chr3:11034419-11080935	0	0	0	1
XLOC_015577	TIMP4	chr3:12045861-12233532	0	0	0	1
XLOC_015584	WNT7A	chr3:13860081-13921618	0	0	0	1
XLOC_015595	MIR4270	chr3:15491639-15563258	0	0	0	1
XLOC_015600	DAZL	chr3:16628300-16647006	0	0	0	1
XLOC_015603	MIR4791	chr3:19190016-19577135	0	0	0	1
XLOC_015607	ZNF385D	chr3:21462489-21792816	0	0	0	1
XLOC_015609	LINC00691	chr3:24141464-24144738	0	0	0	1
XLOC_015610	THRB	chr3:24158644-24541502	0	0	0	1
XLOC_015611	MIR4792	chr3:24562852-24562926	0	0	0	1
XLOC_015615	LINC00692	chr3:25900022-25915186	0	0	0	1
XLOC_015618	EOMES	chr3:27757885-27763785	0	0	0	1
XLOC_015620	GADL1	chr3:30767691-30936153	0	0	0	1
XLOC_015628	DCLK3	chr3:36753912-36781352	0	0	0	1
XLOC_015635	SCN5A	chr3:38589552-38691164	0	0	0	1
XLOC_015636	SCN10A	chr3:38738836-38835501	0	0	0	1
XLOC_015645	CCK	chr3:42299317-42307662	0	0	0	1
XLOC_015646	LYZL4	chr3:42438574-42452065	0	0	0	1

XLOC_015648	HHATL	chr3:42734154-42744319	0	0	0	1
XLOC_015651	CYP8B1	chr3:42913683-42917633	0	0	0	1
XLOC_015666	CCR1	chr3:46243199-46249832	0	0	0	1
XLOC_015667	LTF	chr3:46477495-46506598	0	0	0	1
XLOC_015670	PRSS50	chr3:46753605-46759373	0	0	0	1
XLOC_015671	PRSS46	chr3:46761072-46777921	0	0	0	1
XLOC_015672	PRSS45	chr3:46783580-46786245	0	0	0	1
XLOC_015673	PRSS42	chr3:46871893-46875585	0	0	0	1
XLOC_015674	MYL3	chr3:46899356-46904973	0	0	0	1
XLOC_015685	SPINK8	chr3:48348335-48369831	0	0	0	1
XLOC_015702	MIR425	chr3:49044636-49060926	0	0	0	1
XLOC_015703	MIR191	chr3:49044636-49060926	0	0	0	1
XLOC_015711	LOC646498	chr3:49215068-49229291	0	0	0	1
XLOC_015717	BSN-AS2	chr3:49586738-49591799	0	0	0	1
XLOC_015722	CDHR4	chr3:49828166-49837254	0	0	0	1
XLOC_015725	CAMKV	chr3:49895421-49907369	0	0	0	1
XLOC_015742	IQCF6	chr3:51812576-51813203	0	0	0	1
XLOC_015755	MIRLET7G	chr3:52288437-52312659	0	0	0	1
XLOC_015756	MIR135A1	chr3:52321835-52329272	0	0	0	1
XLOC_015774	CACNA2D3-AS1	chr3:54156692-55108584	0	0	0	1
XLOC_015775	LRTM1	chr3:54156692-55108584	0	0	0	1
XLOC_015776	WNT5A	chr3:55499742-55521670	0	0	0	1
XLOC_015777	ERC2	chr3:55542335-56502391	0	0	0	1
XLOC_015778	ERC2-IT1	chr3:55542335-56502391	0	0	0	1
XLOC_015779	MIR3938	chr3:55542335-56502391	0	0	0	1
XLOC_015792	FAM3D	chr3:58619669-58652561	0	0	0	1
XLOC_015793	C3orf67	chr3:58727736-59035715	0	0	0	1
XLOC_015796	FEZF2	chr3:62355346-62359190	0	0	0	1
XLOC_015797	CADPS	chr3:62384020-62861064	0	0	0	1
XLOC_015798	SYNPR-AS1	chr3:63263913-63602597	0	0	0	1
XLOC_015801	LOC100287879	chr3:64053639-64211131	0	0	0	1
XLOC_015802	PRICKLE2	chr3:64053639-64211131	0	0	0	1
XLOC_015807	FAM19A4	chr3:68780914-68981761	0	0	0	1
XLOC_015810	MIR3136	chr3:69068977-69101484	0	0	0	1
XLOC_015815	MIR1284	chr3:71003864-71633140	0	0	0	1
XLOC_015817	PROK2	chr3:71820805-71834357	0	0	0	1
XLOC_015821	CNTN3	chr3:74311721-74570343	0	0	0	1
XLOC_015827	CADM2-AS2	chr3:85008132-86123579	0	0	0	1
XLOC_015828	RNU6-69	chr3:86490313-86490361	0	0	0	1
XLOC_015829	VGLL3	chr3:86987122-87040257	0	0	0	1
XLOC_015830	MIR4795	chr3:87275338-87275427	0	0	0	1
XLOC_015831	POU1F1	chr3:87308782-87325737	0	0	0	1
XLOC_015837	GABRR3	chr3:97705526-97754148	0	0	0	1
XLOC_015840	ST3GAL6-AS1	chr3:98433176-98514689	0	0	0	1
XLOC_015842	MIR548G	chr3:99273152-99897476	0	0	0	1
XLOC_015844	MIR3921	chr3:99273152-99897476	0	0	0	1
XLOC_015851	MIR548A3	chr3:103903475-103946108	0	0	0	1
XLOC_015854	LINC00635	chr3:107560508-107596918	0	0	0	1
XLOC_015859	RETNLB	chr3:108474485-108476138	0	0	0	1
XLOC_015860	GUCA1C	chr3:108626641-108672677	0	0	0	1
XLOC_015861	MORC1	chr3:108677086-108836998	0	0	0	1
XLOC_015862	DPPA2	chr3:109012634-109035364	0	0	0	1
XLOC_015863	DPPA4	chr3:109044987-109056418	0	0	0	1
XLOC_015865	ZBED2	chr3:111260925-111371208	0	0	0	1
XLOC_015871	CD200R1L	chr3:112534555-112564797	0	0	0	1
XLOC_015879	DRD3	chr3:113847556-113897898	0	0	0	1
XLOC_015881	MIR568	chr3:114035321-114035418	0	0	0	1
XLOC_015883	MIR4796	chr3:114056946-114866127	0	0	0	1
XLOC_015901	ILDR1	chr3:121706169-121741127	0	0	0	1
XLOC_015907	SEMA5B	chr3:122628039-122747452	0	0	0	1
XLOC_015912	ROPN1	chr3:123687878-123710198	0	0	0	1
XLOC_015917	MIR5092	chr3:124801479-124931608	0	0	0	1
XLOC_015921	MIR54811	chr3:125509246-125509398	0	0	0	1
XLOC_015927	UROC1	chr3:126200007-126236618	0	0	0	1
XLOC_015928	C3orf22	chr3:126268518-126277758	0	0	0	1
XLOC_015933	DNAJB8	chr3:128181274-128191168	0	0	0	1
XLOC_015935	C3orf27	chr3:128290842-128294928	0	0	0	1
XLOC_015938	KIAA1257	chr3:128689781-128712988	0	0	0	1
XLOC_015953	SNORA58	chr3:131181044-131221868	0	0	0	1
XLOC_015955	MIR5704	chr3:131253576-131753844	0	0	0	1
XLOC_015959	C3orf36	chr3:133646989-133648658	0	0	0	1
XLOC_015960	SLCO2A1	chr3:133651539-133748928	0	0	0	1
XLOC_015968	A4GNT	chr3:137842559-137851228	0	0	0	1
XLOC_015973	FOXL2	chr3:138663065-138665982	0	0	0	1
XLOC_015975	PRR23B	chr3:138737872-138739768	0	0	0	1
XLOC_015977	PISRT1	chr3:138951833-138952364	0	0	0	1
XLOC_015979	RBP2	chr3:139171725-139195354	0	0	0	1
XLOC_015980	RBP1	chr3:139236275-139258677	0	0	0	1
XLOC_015986	PCOLCE2	chr3:142536701-142608048	0	0	0	1

XLOC_015987	PAQR9	chr3:142680073-142682178	0	0	0	1
XLOC_015990	PLOD2	chr3:145787227-145879282	0	0	0	1
XLOC_015992	PLSCR2	chr3:146151074-146213778	0	0	0	1
XLOC_015994	PLSCR5	chr3:146303624-146324002	0	0	0	1
XLOC_015995	ZIC4	chr3:147103834-147124596	0	0	0	1
XLOC_015998	TM4SF18	chr3:149036284-149051548	0	0	0	1
XLOC_016002	ANKUB1	chr3:149478889-149510610	0	0	0	1
XLOC_016008	GPR171	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016009	P2RY14	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016011	P2RY13	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016012	P2RY12	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016013	IGSF10	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016014	MIR5186	chr3:151283663-151283782	0	0	0	1
XLOC_016019	GPR149	chr3:154055460-154147504	0	0	0	1
XLOC_016020	LOC100507537	chr3:155008020-155011488	0	0	0	1
XLOC_016024	KCNAB1-AS2	chr3:155838336-156256927	0	0	0	1
XLOC_016025	KCNAB1-AS1	chr3:155838336-156256927	0	0	0	1
XLOC_016030	LOC339894	chr3:156799455-156840797	0	0	0	1
XLOC_016041	SPTSSB	chr3:161062579-161089877	0	0	0	1
XLOC_016042	CT64	chr3:162895030-163021088	0	0	0	1
XLOC_016043	SI	chr3:164696685-164796282	0	0	0	1
XLOC_016044	SLITRK3	chr3:164904507-164914468	0	0	0	1
XLOC_016045	BCHE	chr3:165490691-165555252	0	0	0	1
XLOC_016046	ZBBX	chr3:166958076-167098088	0	0	0	1
XLOC_016047	SERPINI2	chr3:167159576-167191920	0	0	0	1
XLOC_016048	WDR49	chr3:167196472-167371288	0	0	0	1
XLOC_016055	LRRC31	chr3:169557028-169587660	0	0	0	1
XLOC_016061	SLC2A2	chr3:170714136-170744768	0	0	0	1
XLOC_016063	MIR569	chr3:170780291-171178197	0	0	0	1
XLOC_016065	GHSR	chr3:172161080-172166246	0	0	0	1
XLOC_016066	TNFSF10	chr3:172232397-172241297	0	0	0	1
XLOC_016068	SPATA16	chr3:172607146-172859058	0	0	0	1
XLOC_016069	NAALADL2-AS3	chr3:174577110-175523428	0	0	0	1
XLOC_016078	FLJ46066	chr3:182164757-182204150	0	0	0	1
XLOC_016083	KLHL6	chr3:183205318-183273498	0	0	0	1
XLOC_016095	LIPH	chr3:185225569-185270368	0	0	0	1
XLOC_016100	LOC253573	chr3:186172769-186211450	0	0	0	1
XLOC_016104	ADIPOQ-AS1	chr3:186560462-186576252	0	0	0	1
XLOC_016105	RPL39L	chr3:186838740-186857262	0	0	0	1
XLOC_016106	MASP1	chr3:186933872-187009810	0	0	0	1
XLOC_016107	SST	chr3:187386693-187388207	0	0	0	1
XLOC_016108	RTP2	chr3:187416046-187463512	0	0	0	1
XLOC_016112	LEPREL1	chr3:189674516-189840226	0	0	0	1
XLOC_016113	CLDN1	chr3:190023489-190040238	0	0	0	1
XLOC_016114	TMEM207	chr3:190146443-190167668	0	0	0	1
XLOC_016115	GMNC	chr3:190570525-190580468	0	0	0	1
XLOC_016119	ATP13A5	chr3:192992830-193096514	0	0	0	1
XLOC_016122	LOC647323	chr3:193675160-193721448	0	0	0	1
XLOC_016123	DPPA2P3	chr3:193675160-193721448	0	0	0	1
XLOC_016124	LOC100131551	chr3:194018988-194030592	0	0	0	1
XLOC_016125	CPN2	chr3:194060493-194072057	0	0	0	1
XLOC_016133	MIR5692C1	chr3:195208644-195208667	0	0	0	1
XLOC_016135	APOD	chr3:195295572-195311078	0	0	0	1
XLOC_016140	ZDHHC19	chr3:195924322-195938300	0	0	0	1
XLOC_016152	MIR4797	chr3:196769430-197030627	0	0	0	1
XLOC_016160	ZNF141	chr4:331595-367691	0	0	0	1
XLOC_016190	FLJ35424	chr4:3578595-3592712	0	0	0	1
XLOC_016196	STK32B	chr4:5053526-5502725	0	0	0	1
XLOC_016199	LOC285484	chr4:6202459-6235663	0	0	0	1
XLOC_016209	SORCS2	chr4:7194373-7744564	0	0	0	1
XLOC_016210	MIR4798	chr4:7194373-7744564	0	0	0	1
XLOC_016211	MIR4274	chr4:7194373-7744564	0	0	0	1
XLOC_016214	HTRA3	chr4:8271488-8308838	0	0	0	1
XLOC_016216	GPR78	chr4:8581963-8591750	0	0	0	1
XLOC_016218	LOC650293	chr4:8951476-8952127	0	0	0	1
XLOC_016219	USP17L10	chr4:9212382-9213975	0	0	0	1
XLOC_016220	USP17L18	chr4:9217130-9218723	0	0	0	1
XLOC_016221	USP17L21	chr4:9221877-9223470	0	0	0	1
XLOC_016222	USP17L13	chr4:9226621-9228214	0	0	0	1
XLOC_016223	USP17L15	chr4:9236110-9238060	0	0	0	1
XLOC_016224	USP17L17	chr4:9245604-9247197	0	0	0	1
XLOC_016225	USP17L18	chr4:9250355-9251948	0	0	0	1
XLOC_016226	USP17L19	chr4:9255103-9256696	0	0	0	1
XLOC_016227	USP17L22	chr4:9259849-9261442	0	0	0	1
XLOC_016228	USP17L12	chr4:9264597-9266190	0	0	0	1
XLOC_016229	USP17L22	chr4:9269344-9270937	0	0	0	1
XLOC_016230	USP17L28	chr4:9326890-9328483	0	0	0	1
XLOC_016231	USP17L26	chr4:9331636-9333229	0	0	0	1
XLOC_016232	USP17L24	chr4:9336383-9337976	0	0	0	1

XLOC_016233	USP17L28	chr4:9341128-9342721	0	0	0	1
XLOC_016234	USP17L25	chr4:9345873-9347466	0	0	0	1
XLOC_016235	USP17L30	chr4:9350618-9352211	0	0	0	1
XLOC_016236	USP17L27	chr4:9355363-9356956	0	0	0	1
XLOC_016237	USP17L9P	chr4:9360107-9361700	0	0	0	1
XLOC_016238	USP17L27	chr4:9364854-9366447	0	0	0	1
XLOC_016239	USP17L6P	chr4:9369599-9370796	0	0	0	1
XLOC_016242	MIR572	chr4:11370450-11370545	0	0	0	1
XLOC_016243	MIR5091	chr4:13629488-13629581	0	0	0	1
XLOC_016244	LOC152742	chr4:14113591-14141676	0	0	0	1
XLOC_016246	C1QTNF7	chr4:15341559-15447791	0	0	0	1
XLOC_016250	CD38	chr4:15779930-15850706	0	0	0	1
XLOC_016252	CLRN2	chr4:17516787-17528727	0	0	0	1
XLOC_016256	SLIT2	chr4:20255234-20620788	0	0	0	1
XLOC_016257	SLIT2-IT1	chr4:20255234-20620788	0	0	0	1
XLOC_016258	MIR218-1	chr4:20255234-20620788	0	0	0	1
XLOC_016260	GBA3	chr4:22694547-22821192	0	0	0	1
XLOC_016261	SOD3	chr4:24797084-24802467	0	0	0	1
XLOC_016266	SLC34A2	chr4:25657434-25680368	0	0	0	1
XLOC_016271	MIR4275	chr4:28821203-28821290	0	0	0	1
XLOC_016272	PCDH7	chr4:30722029-31148423	0	0	0	1
XLOC_016273	DTHD1	chr4:36283236-36346407	0	0	0	1
XLOC_016274	KIAA1239	chr4:37246689-37451087	0	0	0	1
XLOC_016281	MIR574	chr4:38869353-38947365	0	0	0	1
XLOC_016290	RHOH	chr4:40198526-40246281	0	0	0	1
XLOC_016291	CHRNA9	chr4:40337345-40357234	0	0	0	1
XLOC_016293	UCHL1	chr4:41258897-41270446	0	0	0	1
XLOC_016298	SHISA3	chr4:42399855-42404504	0	0	0	1
XLOC_016301	GABRB1	chr4:47033294-47428447	0	0	0	1
XLOC_016306	ZAR1	chr4:48492308-48496422	0	0	0	1
XLOC_016308	CWH43	chr4:48988264-49064095	0	0	0	1
XLOC_016310	SPATA18	chr4:52917592-52963458	0	0	0	1
XLOC_016312	MIR4449	chr4:53578620-53580305	0	0	0	1
XLOC_016314	LOC152578	chr4:53656160-53681631	0	0	0	1
XLOC_016315	RASL11B	chr4:53728494-53733002	0	0	0	1
XLOC_016317	LNX1-AS1	chr4:54326436-54457753	0	0	0	1
XLOC_016318	LNX1-AS2	chr4:54459122-54471548	0	0	0	1
XLOC_016319	GSX2	chr4:54966247-54968122	0	0	0	1
XLOC_016321	KIT	chr4:55524094-55606881	0	0	0	1
XLOC_016324	LOC644145	chr4:56686236-56703430	0	0	0	1
XLOC_016331	THEGL	chr4:57396774-57469489	0	0	0	1
XLOC_016334	LOC255130	chr4:57845108-58071465	0	0	0	1
XLOC_016335	LPHN3	chr4:62362838-62938168	0	0	0	1
XLOC_016336	LOC100144602	chr4:66535678-66559104	0	0	0	1
XLOC_016339	LOC550113	chr4:68918915-68995587	0	0	0	1
XLOC_016340	FTLP10	chr4:69048009-69083798	0	0	0	1
XLOC_016341	TMPRSS11E	chr4:69313166-69363322	0	0	0	1
XLOC_016342	UGT2B10	chr4:69681712-69697741	0	0	0	1
XLOC_016343	UGT2B7	chr4:69962192-69978705	0	0	0	1
XLOC_016344	UGT2B28	chr4:70146216-70160768	0	0	0	1
XLOC_016345	CSN1S1	chr4:70796798-70812288	0	0	0	1
XLOC_016346	STATH	chr4:70861647-70868173	0	0	0	1
XLOC_016347	HTN3	chr4:70894129-70902255	0	0	0	1
XLOC_016348	HTN1	chr4:70916158-70924559	0	0	0	1
XLOC_016349	CSN1S2AP	chr4:70933102-70950988	0	0	0	1
XLOC_016350	CSN1S2BP	chr4:70999320-71012421	0	0	0	1
XLOC_016352	ODAM	chr4:71062243-71070293	0	0	0	1
XLOC_016353	FDCSP	chr4:71091787-71100968	0	0	0	1
XLOC_016354	CSN3	chr4:71108332-71117145	0	0	0	1
XLOC_016355	CABS1	chr4:71200670-71202833	0	0	0	1
XLOC_016356	SMR3A	chr4:71226492-71232823	0	0	0	1
XLOC_016357	SMR3B	chr4:71248794-71255961	0	0	0	1
XLOC_016358	PROL1	chr4:71263598-71275914	0	0	0	1
XLOC_016359	MUC7	chr4:71296208-71348714	0	0	0	1
XLOC_016360	AMTN	chr4:71384297-71398459	0	0	0	1
XLOC_016361	AMBN	chr4:71457974-71473004	0	0	0	1
XLOC_016362	ENAM	chr4:71494460-71512536	0	0	0	1
XLOC_016368	NPFFR2	chr4:72897520-73013918	0	0	0	1
XLOC_016369	ALB	chr4:74269971-74287129	0	0	0	1
XLOC_016370	AFP	chr4:74301932-74321492	0	0	0	1
XLOC_016371	AFM	chr4:74347461-74369718	0	0	0	1
XLOC_016372	LOC728040	chr4:74374519-74394250	0	0	0	1
XLOC_016374	CXCL6	chr4:74702272-74704477	0	0	0	1
XLOC_016375	PF4V1	chr4:74719012-74720198	0	0	0	1
XLOC_016380	AREG	chr4:75310852-75320726	0	0	0	1
XLOC_016381	AREG	chr4:75480628-75490485	0	0	0	1
XLOC_016383	LOC441025	chr4:76279285-76287776	0	0	0	1
XLOC_016387	ART3	chr4:76932332-77033955	0	0	0	1
XLOC_016390	MIR4450	chr4:77356252-77704405	0	0	0	1

XLOC_016393	CXCL13	chr4:78432906-78532988	0	0	0	1
XLOC_016396	ANXA3	chr4:79472741-79531605	0	0	0	1
XLOC_016397	LOC100505702	chr4:79567147-79605655	0	0	0	1
XLOC_016400	LOC100506035	chr4:80413746-80497614	0	0	0	1
XLOC_016401	GDEP	chr4:80748624-80784401	0	0	0	1
XLOC_016414	MIR4451	chr4:86396283-86923823	0	0	0	1
XLOC_016418	DSPP	chr4:88529680-88538025	0	0	0	1
XLOC_016420	IBSP	chr4:88720701-88733601	0	0	0	1
XLOC_016421	MEPE	chr4:88742562-88767968	0	0	0	1
XLOC_016429	LOC644248	chr4:90645249-90763142	0	0	0	1
XLOC_016430	MMRN1	chr4:90816051-90875780	0	0	0	1
XLOC_016431	CCSER1	chr4:91048683-92523370	0	0	0	1
XLOC_016432	GRID2	chr4:93225549-94693649	0	0	0	1
XLOC_016433	ATOH1	chr4:94750077-94751142	0	0	0	1
XLOC_016436	BMPR1B	chr4:95679127-96079601	0	0	0	1
XLOC_016437	PDHA2	chr4:96761238-96762625	0	0	0	1
XLOC_016440	MIR3684	chr4:99916787-99983960	0	0	0	1
XLOC_016442	C4orf17	chr4:100432160-100463460	0	0	0	1
XLOC_016444	DAPP1	chr4:100737980-100791346	0	0	0	1
XLOC_016447	BANK1	chr4:102711763-102995965	0	0	0	1
XLOC_016452	ARHGEF38-IT1	chr4:106473776-106602070	0	0	0	1
XLOC_016474	MIR1243	chr4:113739238-114304896	0	0	0	1
XLOC_016476	MIR577	chr4:115519610-115598202	0	0	0	1
XLOC_016477	MIR1973	chr4:117220880-117220924	0	0	0	1
XLOC_016478	NDST3	chr4:118955499-119179785	0	0	0	1
XLOC_016481	CEP170P1	chr4:119437494-119475355	0	0	0	1
XLOC_016484	MYOZ2	chr4:120056938-120108944	0	0	0	1
XLOC_016487	PP12613	chr4:122680084-122687965	0	0	0	1
XLOC_016490	ADAD1	chr4:123300120-123350947	0	0	0	1
XLOC_016495	LOC285419	chr4:124573939-124851515	0	0	0	1
XLOC_016496	FAT4	chr4:126237566-126414087	0	0	0	1
XLOC_016497	MIR2054	chr4:126428413-126428465	0	0	0	1
XLOC_016506	PCDH10	chr4:134070469-134112732	0	0	0	1
XLOC_016508	LINC00499	chr4:139230864-139345495	0	0	0	1
XLOC_016513	SCOC	chr4:141178439-141303710	0	0	0	1
XLOC_016521	HHIP	chr4:145564067-145659887	0	0	0	1
XLOC_016525	C4orf51	chr4:146601355-146653945	0	0	0	1
XLOC_016527	POU4F2	chr4:147560044-147563625	0	0	0	1
XLOC_016528	EDNRA	chr4:148402068-148466106	0	0	0	1
XLOC_016531	MIR4799	chr4:148653452-148993927	0	0	0	1
XLOC_016543	TLR2	chr4:154605440-154627242	0	0	0	1
XLOC_016546	RBM46	chr4:155702426-155749965	0	0	0	1
XLOC_016547	NPY2R	chr4:156129780-156138225	0	0	0	1
XLOC_016548	GUCY1A3	chr4:156587861-156658214	0	0	0	1
XLOC_016549	GUCY1B3	chr4:156680125-156728778	0	0	0	1
XLOC_016551	GLRB	chr4:157997276-158093242	0	0	0	1
XLOC_016552	GRIA2	chr4:158141735-158287225	0	0	0	1
XLOC_016553	LOC340017	chr4:158493641-158497303	0	0	0	1
XLOC_016555	RXFP1	chr4:159442865-159574527	0	0	0	1
XLOC_016558	MIR3688-2	chr4:160049953-160050046	0	0	0	1
XLOC_016560	NPY5R	chr4:164265090-164273085	0	0	0	1
XLOC_016562	MIR5684	chr4:165426541-165630646	0	0	0	1
XLOC_016564	LOC100506013	chr4:165798155-165818675	0	0	0	1
XLOC_016565	FAM218A	chr4:165875597-165898815	0	0	0	1
XLOC_016566	TRIM60	chr4:165953150-165962896	0	0	0	1
XLOC_016569	CPE	chr4:166300096-166419482	0	0	0	1
XLOC_016570	MIR578	chr4:166300096-166419482	0	0	0	1
XLOC_016571	TLL1	chr4:166794409-167025605	0	0	0	1
XLOC_016572	ANXA10	chr4:169013687-169108893	0	0	0	1
XLOC_016575	LOC100506122	chr4:171961752-171980317	0	0	0	1
XLOC_016576	GALNTL6	chr4:172734574-173961555	0	0	0	1
XLOC_016579	NBLA00301	chr4:174451608-174462987	0	0	0	1
XLOC_016581	MIR4276	chr4:175344945-175345015	0	0	0	1
XLOC_016582	ADAM29	chr4:175839508-175899337	0	0	0	1
XLOC_016583	WDR17	chr4:176986984-177103975	0	0	0	1
XLOC_016586	LOC285501	chr4:178649910-178911904	0	0	0	1
XLOC_016587	MIR1305	chr4:183090445-183090537	0	0	0	1
XLOC_016589	FAM92A1P2	chr4:183958817-183961272	0	0	0	1
XLOC_016594	STOX2	chr4:184826508-184938875	0	0	0	1
XLOC_016596	HELT	chr4:185940082-185941925	0	0	0	1
XLOC_016605	F11	chr4:187187117-187422212	0	0	0	1
XLOC_016607	TRIML1	chr4:189060597-189068645	0	0	0	1
XLOC_016608	LOC401164	chr4:189376731-189523062	0	0	0	1
XLOC_016610	DUX2	chr4:190988866-190990406	0	0	0	1
XLOC_016611	DUX4L4	chr4:190992092-190993703	0	0	0	1
XLOC_016612	DUX4L5	chr4:190995385-190996995	0	0	0	1
XLOC_016613	DUX4L6	chr4:190998678-191000285	0	0	0	1
XLOC_016614	DUX4L4	chr4:191001978-191003583	0	0	0	1
XLOC_016615	DUX4	chr4:191005266-191006883	0	0	0	1

XLOC_016616	DUX4L3	chr4:191008565-191010176	0	0	0	1
XLOC_016617	DUX4	chr4:191011859-191013476	0	0	0	1
XLOC_016627	RNF212	chr4:1065265-1107352	0	0	0	1
XLOC_016628	TMED11P	chr4:1108984-1116952	0	0	0	1
XLOC_016642	HTT-AS1	chr4:3064972-3076241	0	0	0	1
XLOC_016644	LOC100133461	chr4:3675319-3679582	0	0	0	1
XLOC_016646	OTOP1	chr4:4190529-4228621	0	0	0	1
XLOC_016650	CYTL1	chr4:5016313-5021197	0	0	0	1
XLOC_016651	EVC2	chr4:5564145-5711275	0	0	0	1
XLOC_016653	MIR378D1	chr4:5925001-5925055	0	0	0	1
XLOC_016654	JAKMIP1	chr4:6027925-6202318	0	0	0	1
XLOC_016661	PSAPL1	chr4:7194373-7744564	0	0	0	1
XLOC_016665	HMX1	chr4:8868772-8873543	0	0	0	1
XLOC_016666	MIR548I2	chr4:9557788-9557937	0	0	0	1
XLOC_016669	MIR3138	chr4:10075962-10118573	0	0	0	1
XLOC_016670	ZNF518B	chr4:10441503-10459032	0	0	0	1
XLOC_016671	CLNK	chr4:10491837-10686386	0	0	0	1
XLOC_016672	HS3ST1	chr4:11399987-11430537	0	0	0	1
XLOC_016674	LOC285547	chr4:13527942-13533041	0	0	0	1
XLOC_016675	NKX3-2	chr4:13542453-13546114	0	0	0	1
XLOC_016676	LOC285548	chr4:13547699-13549448	0	0	0	1
XLOC_016678	LOC441009	chr4:14911584-15003669	0	0	0	1
XLOC_016680	FGFBP1	chr4:15937192-15940363	0	0	0	1
XLOC_016681	FGFBP2	chr4:15961862-15964859	0	0	0	1
XLOC_016684	LDB2	chr4:16503164-16900424	0	0	0	1
XLOC_016685	MIR548AX	chr4:16503164-16900424	0	0	0	1
XLOC_016691	KCNIP4-IT1	chr4:20730238-21950374	0	0	0	1
XLOC_016694	MIR548AJ2	chr4:23199716-23464726	0	0	0	1
XLOC_016695	PPARGC1A	chr4:23793643-23891700	0	0	0	1
XLOC_016696	MIR573	chr4:24521814-24521913	0	0	0	1
XLOC_016702	CCKAR	chr4:26483017-26492042	0	0	0	1
XLOC_016704	MIR4801	chr4:37243531-37243613	0	0	0	1
XLOC_016707	TLR10	chr4:38773859-38784611	0	0	0	1
XLOC_016718	MIR4802	chr4:40425271-40631883	0	0	0	1
XLOC_016720	PHOX2B	chr4:41746098-41750987	0	0	0	1
XLOC_016723	KCTD8	chr4:44175919-44450824	0	0	0	1
XLOC_016724	YIPF7	chr4:44624353-44653658	0	0	0	1
XLOC_016726	GABRG1	chr4:46037786-46126082	0	0	0	1
XLOC_016727	GABRA2	chr4:46251580-46392056	0	0	0	1
XLOC_016729	GABRA4	chr4:46920916-46996424	0	0	0	1
XLOC_016741	ERVMER34-1	chr4:53609683-53617807	0	0	0	1
XLOC_016746	KDR	chr4:55944425-55991762	0	0	0	1
XLOC_016753	HOPX	chr4:57514153-57547872	0	0	0	1
XLOC_016754	SPINK2	chr4:57676025-57688035	0	0	0	1
XLOC_016757	TECRL	chr4:65144176-65275178	0	0	0	1
XLOC_016758	LOC401134	chr4:65779988-65870218	0	0	0	1
XLOC_016759	EPHA5	chr4:66185280-66535653	0	0	0	1
XLOC_016764	TMPRSS11A	chr4:68776018-68829232	0	0	0	1
XLOC_016765	TMPRSS11GP	chr4:68857529-68863157	0	0	0	1
XLOC_016766	TMPRSS11F	chr4:68918915-68995587	0	0	0	1
XLOC_016767	SYT14L	chr4:68918915-68995587	0	0	0	1
XLOC_016768	TMPRSS11BNL	chr4:69048009-69083798	0	0	0	1
XLOC_016769	TMPRSS11B	chr4:69092370-69111412	0	0	0	1
XLOC_016772	UGT2B15	chr4:69512314-69536494	0	0	0	1
XLOC_016773	UGT2A3	chr4:69794176-69817509	0	0	0	1
XLOC_016774	UGT2B10	chr4:69870294-69886113	0	0	0	1
XLOC_016775	UGT2B11	chr4:70066050-70080449	0	0	0	1
XLOC_016776	UGT2B4	chr4:70345882-70361626	0	0	0	1
XLOC_016777	UGT2A1,UGT2A2	chr4:70454134-70518967	0	0	0	1
XLOC_016778	SULT1B1	chr4:70592685-70626430	0	0	0	1
XLOC_016779	SULT1E1	chr4:70706929-70725870	0	0	0	1
XLOC_016780	CSN2	chr4:70820973-70826726	0	0	0	1
XLOC_016783	GC	chr4:72607410-72671237	0	0	0	1
XLOC_016784	ADAMTS3	chr4:73146685-73434516	0	0	0	1
XLOC_016787	RASSF6	chr4:74437266-74486348	0	0	0	1
XLOC_016788	PF4	chr4:74846541-74847841	0	0	0	1
XLOC_016789	PPBP	chr4:74852155-74853907	0	0	0	1
XLOC_016790	CXCL5	chr4:74861358-74864416	0	0	0	1
XLOC_016792	PPBPP2	chr4:74919754-74921116	0	0	0	1
XLOC_016801	CXCL9	chr4:76922622-76928641	0	0	0	1
XLOC_016802	CXCL10	chr4:76932332-77033955	0	0	0	1
XLOC_016803	CXCL11	chr4:76932332-77033955	0	0	0	1
XLOC_016811	NAA11	chr4:80238271-80247171	0	0	0	1
XLOC_016812	GK2	chr4:80327506-80329372	0	0	0	1
XLOC_016814	PRKG2	chr4:82009836-82126215	0	0	0	1
XLOC_016819	LINC00575	chr4:83534265-83542590	0	0	0	1
XLOC_016821	MIR575	chr4:83550689-83720010	0	0	0	1
XLOC_016830	NKX6-1	chr4:85414435-85419387	0	0	0	1
XLOC_016832	MAPK10	chr4:86936275-87374283	0	0	0	1

XLOC_016837	MIR5705	chr4:88221646-88221735	0	0	0	1
XLOC_016846	GPRIN3	chr4:90165428-90229161	0	0	0	1
XLOC_016847	SNCA	chr4:90645249-90763142	0	0	0	1
XLOC_016848	HPGDS	chr4:95219706-95264027	0	0	0	1
XLOC_016849	UNC5C	chr4:96083655-96470361	0	0	0	1
XLOC_016854	ADH4	chr4:100010007-10022251:	0	0	0	1
XLOC_016855	PCNAP1	chr4:100010007-10022251:	0	0	0	1
XLOC_016857	ADH1A	chr4:100010007-10022251:	0	0	0	1
XLOC_016858	ADH1B	chr4:100227526-10024257:	0	0	0	1
XLOC_016859	ADH1C	chr4:100257648-10027391:	0	0	0	1
XLOC_016860	ADH7	chr4:100333417-10035666:	0	0	0	1
XLOC_016866	EMCN	chr4:101316497-10143925:	0	0	0	1
XLOC_016867	EMCN-IT3	chr4:101581435-10159627:	0	0	0	1
XLOC_016876	TACR3	chr4:104510624-10464097:	0	0	0	1
XLOC_016881	GIMD1	chr4:107279339-10728859:	0	0	0	1
XLOC_016882	DKK2	chr4:107842958-10795745:	0	0	0	1
XLOC_016886	AGXT2L1	chr4:109663201-10968423:	0	0	0	1
XLOC_016887	COL25A1	chr4:109731876-11022379:	0	0	0	1
XLOC_016891	CFI	chr4:110661847-11072333:	0	0	0	1
XLOC_016897	MIR367	chr4:113460488-11357874:	0	0	0	1
XLOC_016898	MIR302D	chr4:113460488-11357874:	0	0	0	1
XLOC_016899	MIR302A	chr4:113460488-11357874:	0	0	0	1
XLOC_016900	MIR302C	chr4:113460488-11357874:	0	0	0	1
XLOC_016901	MIR302B	chr4:113460488-11357874:	0	0	0	1
XLOC_016904	NDST4	chr4:115748926-11603503:	0	0	0	1
XLOC_016905	TRAM1L1	chr4:118004709-11800673:	0	0	0	1
XLOC_016909	FABP2	chr4:120238404-12024331:	0	0	0	1
XLOC_016915	TNIP3	chr4:122052563-12214862:	0	0	0	1
XLOC_016916	QRFRP	chr4:122249796-12230218:	0	0	0	1
XLOC_016918	TMEM155	chr4:122680084-12268796:	0	0	0	1
XLOC_016921	TRPC3	chr4:122800182-12287290:	0	0	0	1
XLOC_016922	IL2	chr4:123372625-12337765:	0	0	0	1
XLOC_016923	IL21	chr4:123533782-12354221:	0	0	0	1
XLOC_016930	PABPC4L	chr4:135117488-13512290:	0	0	0	1
XLOC_016932	LINC00616	chr4:138948576-13916350:	0	0	0	1
XLOC_016939	LOC100129858	chr4:141178439-14130371:	0	0	0	1
XLOC_016940	CLGN	chr4:141309606-14134881:	0	0	0	1
XLOC_016941	UCP1	chr4:141481049-14148995:	0	0	0	1
XLOC_016942	TBC1D9	chr4:141541935-14167747:	0	0	0	1
XLOC_016943	TNRC18P1	chr4:141541935-14167747:	0	0	0	1
XLOC_016944	RNF150	chr4:141786724-14205461:	0	0	0	1
XLOC_016945	INPP4B	chr4:142949181-14376760:	0	0	0	1
XLOC_016946	FREM3	chr4:144498560-14462182:	0	0	0	1
XLOC_016947	GYPE	chr4:144792018-14482671:	0	0	0	1
XLOC_016948	GYPB	chr4:144917256-14494049:	0	0	0	1
XLOC_016949	GYPB	chr4:145030455-14506190:	0	0	0	1
XLOC_016954	LOC100505545	chr4:147030606-14704306:	0	0	0	1
XLOC_016963	MIR3140	chr4:153242409-15345639:	0	0	0	1
XLOC_016964	TMEM154	chr4:153547265-15360131:	0	0	0	1
XLOC_016967	RNF175	chr4:154631311-15468138:	0	0	0	1
XLOC_016968	SFRP2	chr4:154701741-15471022:	0	0	0	1
XLOC_016969	DCHS2	chr4:155155526-15541293:	0	0	0	1
XLOC_016971	FGA	chr4:155504279-15551189:	0	0	0	1
XLOC_016972	FGG	chr4:155525285-15553390:	0	0	0	1
XLOC_016973	MAP9	chr4:156263811-15629812:	0	0	0	1
XLOC_016974	ASIC5	chr4:156750880-15678742:	0	0	0	1
XLOC_016976	PDGFC	chr4:157682762-15789254:	0	0	0	1
XLOC_016980	C4orf45	chr4:159690181-15995633:	0	0	0	1
XLOC_016981	MIR3688-1	chr4:160049953-16005004:	0	0	0	1
XLOC_016984	NPY1R	chr4:164245116-16425394:	0	0	0	1
XLOC_016985	TKTL2	chr4:164392246-16439504:	0	0	0	1
XLOC_016987	ANP32C	chr4:164445449-16530440:	0	0	0	1
XLOC_016991	SPOCK3	chr4:167654535-16815574:	0	0	0	1
XLOC_016998	LOC100506085	chr4:170838911-17089705:	0	0	0	1
XLOC_017002	SCRG1	chr4:174309298-17432061:	0	0	0	1
XLOC_017003	HAND2	chr4:174447651-17445137:	0	0	0	1
XLOC_017006	GLRA3	chr4:175563197-17575046:	0	0	0	1
XLOC_017009	ASB5	chr4:177134825-17719037:	0	0	0	1
XLOC_017010	VEGFC	chr4:177604690-17771389:	0	0	0	1
XLOC_017012	LINC00290	chr4:181985242-18208030:	0	0	0	1
XLOC_017028	MIR3945	chr4:185772166-18577226:	0	0	0	1
XLOC_017029	LOC100506229	chr4:185814153-18582061:	0	0	0	1
XLOC_017034	PDLIM3	chr4:186421814-18645671:	0	0	0	1
XLOC_017037	LOC285441	chr4:187187117-18742221:	0	0	0	1
XLOC_017038	MTNR1A	chr4:187454808-18747653:	0	0	0	1
XLOC_017040	LOC339975	chr4:188225236-18842676:	0	0	0	1
XLOC_017059	SLC6A19	chr5:1201709-1225230	0	0	0	1
XLOC_017060	SLC6A18	chr5:1225469-1246304	0	0	0	1
XLOC_017063	IRX1	chr5:3596167-3601517	0	0	0	1

XLOC_017064	LOC340094	chr5:5034471-5070115	0	0	0	1
XLOC_017067	UBE2QL1	chr5:6448735-6496834	0	0	0	1
XLOC_017068	LOC255167	chr5:6582286-6588613	0	0	0	1
XLOC_017071	ADCY2	chr5:7396342-7830194	0	0	0	1
XLOC_017074	LOC100505806	chr5:9546311-9550409	0	0	0	1
XLOC_017075	SNORD123	chr5:9546311-9550409	0	0	0	1
XLOC_017080	CT49	chr5:12574968-12805295	0	0	0	1
XLOC_017085	FBXL7	chr5:15500304-15939900	0	0	0	1
XLOC_017086	BASP1	chr5:17130136-17276954	0	0	0	1
XLOC_017088	PMCHL1	chr5:21750972-22853731	0	0	0	1
XLOC_017089	PRDM9	chr5:23507723-23528706	0	0	0	1
XLOC_017091	LSP1P3	chr5:28926976-28927420	0	0	0	1
XLOC_017097	LOC340113	chr5:32947548-32962573	0	0	0	1
XLOC_017099	RXFP3	chr5:33936490-33939023	0	0	0	1
XLOC_017101	TTC23L	chr5:34839268-34899564	0	0	0	1
XLOC_017105	IL7R	chr5:35856976-35879705	0	0	0	1
XLOC_017107	SLC1A3	chr5:36606456-36688436	0	0	0	1
XLOC_017110	EGFLAM	chr5:38258510-38465582	0	0	0	1
XLOC_017118	CCDC152	chr5:42756919-42812024	0	0	0	1
XLOC_017122	NNT	chr5:43573286-43705668	0	0	0	1
XLOC_017131	HSPB3	chr5:53751430-53752214	0	0	0	1
XLOC_017132	SNX18	chr5:53813588-53842416	0	0	0	1
XLOC_017133	GZMK	chr5:54320106-54329960	0	0	0	1
XLOC_017134	GZMA	chr5:54398473-54406080	0	0	0	1
XLOC_017137	DDX4	chr5:55033844-55112974	0	0	0	1
XLOC_017142	GAPT	chr5:57787329-57792185	0	0	0	1
XLOC_017143	RAB3C	chr5:57878938-58147406	0	0	0	1
XLOC_017144	PART1	chr5:58264865-59843484	0	0	0	1
XLOC_017147	C5orf64	chr5:60933635-61002362	0	0	0	1
XLOC_017150	RNF180	chr5:63461670-63668696	0	0	0	1
XLOC_017151	RGS7BP	chr5:63801773-63908121	0	0	0	1
XLOC_017152	FAM159B	chr5:63986134-64064496	0	0	0	1
XLOC_017174	SERF1A	chr5:70196489-70214357	0	0	0	1
XLOC_017179	CARTPT	chr5:71014989-71016875	0	0	0	1
XLOC_017181	MIR4803	chr5:71403117-71505397	0	0	0	1
XLOC_017184	MIR4804	chr5:72112417-72210215	0	0	0	1
XLOC_017186	TMEM171	chr5:72416387-72427644	0	0	0	1
XLOC_017187	TMEM174	chr5:72469022-72470970	0	0	0	1
XLOC_017195	ANKDD1B	chr5:74916139-74966865	0	0	0	1
XLOC_017196	SV2C	chr5:75379304-75621416	0	0	0	1
XLOC_017198	NCRUPAR	chr5:76008227-76008713	0	0	0	1
XLOC_017200	F2RL1	chr5:76114832-76131140	0	0	0	1
XLOC_017201	S100Z	chr5:76145825-76217056	0	0	0	1
XLOC_017202	CRHBP	chr5:76248679-76265299	0	0	0	1
XLOC_017208	BHMT	chr5:78407603-78428113	0	0	0	1
XLOC_017213	SPZ1	chr5:79615789-79617660	0	0	0	1
XLOC_017218	RNU5E-1	chr5:80256507-81047072	0	0	0	1
XLOC_017219	CKMT2	chr5:80256507-81047072	0	0	0	1
XLOC_017223	MIR3977	chr5:82135973-82136043	0	0	0	1
XLOC_017226	NBPF22P	chr5:85578261-85593365	0	0	0	1
XLOC_017228	MIR3607	chr5:85913783-85916583	0	0	0	1
XLOC_017235	MIR548AO	chr5:92919042-93447404	0	0	0	1
XLOC_017239	GPR150	chr5:94955979-94957284	0	0	0	1
XLOC_017243	MIR583	chr5:95414841-95414916	0	0	0	1
XLOC_017253	RAB9BP1	chr5:104435174-104435798	0	0	0	1
XLOC_017256	LOC100289673	chr5:109218882-109221200	0	0	0	1
XLOC_017260	CAMK4	chr5:110559946-110820748	0	0	0	1
XLOC_017262	NREP-AS1	chr5:110834021-111353000	0	0	0	1
XLOC_017265	FLJ11235	chr5:111755279-111756677	0	0	0	1
XLOC_017273	ARL14EPL	chr5:115387162-115394827	0	0	0	1
XLOC_017275	LOC728342	chr5:116751207-116915438	0	0	0	1
XLOC_017276	MIR1244-2	chr5:118172568-118324240	0	0	0	1
XLOC_017280	FAM170A	chr5:118965253-118971517	0	0	0	1
XLOC_017281	PRR16	chr5:119800018-120022964	0	0	0	1
XLOC_017282	FTMT	chr5:121187649-121188520	0	0	0	1
XLOC_017291	GRAMD3	chr5:125695787-125829850	0	0	0	1
XLOC_017295	MEGF10	chr5:126626455-126796910	0	0	0	1
XLOC_017297	CTXN3	chr5:126984712-126994320	0	0	0	1
XLOC_017299	SLC27A6	chr5:128301209-128369330	0	0	0	1
XLOC_017301	MIR4633	chr5:128430441-128449710	0	0	0	1
XLOC_017302	ADAMTS19	chr5:128796102-129074370	0	0	0	1
XLOC_017303	KIAA1024L	chr5:129083883-129100750	0	0	0	1
XLOC_017304	CHSY3	chr5:129240522-129522327	0	0	0	1
XLOC_017307	IL3	chr5:131396346-131398890	0	0	0	1
XLOC_017309	PDLIM4	chr5:131593350-131609147	0	0	0	1
XLOC_017315	IL4	chr5:132009677-132018370	0	0	0	1
XLOC_017317	SOWAHA	chr5:132149032-132152480	0	0	0	1
XLOC_017322	MIR3661	chr5:133532147-133561950	0	0	0	1
XLOC_017333	SLC25A48	chr5:135170364-135224320	0	0	0	1

XLOC_017334	FBXL21	chr5:135266005-135277361	0	0	0	1
XLOC_017337	NPY6R	chr5:137136881-137146435	0	0	0	1
XLOC_017338	MYOT	chr5:137203544-137223540	0	0	0	1
XLOC_017339	PKD2L2	chr5:137225124-137368800	0	0	0	1
XLOC_017340	WNT8A	chr5:137419773-137427195	0	0	0	1
XLOC_017352	PSD2	chr5:139175405-139224048	0	0	0	1
XLOC_017365	VTRNA1-2	chr5:140098510-140098598	0	0	0	1
XLOC_017368	PCDHB1	chr5:140430978-140433512	0	0	0	1
XLOC_017395	MIR5197	chr5:143059424-143059536	0	0	0	1
XLOC_017396	HMHB1	chr5:143191725-143200284	0	0	0	1
XLOC_017400	POU4F3	chr5:145718586-145720083	0	0	0	1
XLOC_017402	STK32A	chr5:146614578-146763768	0	0	0	1
XLOC_017403	JAKMIP2-AS1	chr5:146939556-147162411	0	0	0	1
XLOC_017404	SCGB3A2	chr5:147258273-147261756	0	0	0	1
XLOC_017405	SPINK5	chr5:147443534-147516925	0	0	0	1
XLOC_017406	SPINK14	chr5:147549295-147554961	0	0	0	1
XLOC_017407	SPINK6	chr5:147582356-147594700	0	0	0	1
XLOC_017408	SPINK13	chr5:147648422-147665770	0	0	0	1
XLOC_017409	SPINK7	chr5:147691989-147695481	0	0	0	1
XLOC_017410	SPINK9	chr5:147715121-147719412	0	0	0	1
XLOC_017412	ADRB2	chr5:148206155-148208190	0	0	0	1
XLOC_017422	CDX1	chr5:149546343-149564112	0	0	0	1
XLOC_017423	SLC6A7	chr5:149569519-149590635	0	0	0	1
XLOC_017434	GRIA1	chr5:152870083-153193425	0	0	0	1
XLOC_017441	KIF4B	chr5:154393259-154397685	0	0	0	1
XLOC_017442	SGCD	chr5:155753766-156194798	0	0	0	1
XLOC_017444	ITK	chr5:156607906-156682105	0	0	0	1
XLOC_017446	NIPAL4	chr5:156887026-156901730	0	0	0	1
XLOC_017447	C5orf52	chr5:157098560-157107162	0	0	0	1
XLOC_017452	ADRA1B	chr5:159343739-159400017	0	0	0	1
XLOC_017456	MIR3142	chr5:159901408-159901490	0	0	0	1
XLOC_017457	MIR146A	chr5:159912358-159912457	0	0	0	1
XLOC_017458	GABRA6	chr5:161112657-161129598	0	0	0	1
XLOC_017459	GABRA1	chr5:161274196-161326965	0	0	0	1
XLOC_017460	GABRG2	chr5:161494647-161582545	0	0	0	1
XLOC_017464	TENM2	chr5:166711842-167691162	0	0	0	1
XLOC_017468	MIR103B1	chr5:167982627-168006614	0	0	0	1
XLOC_017470	DOCK2	chr5:169064250-169510386	0	0	0	1
XLOC_017471	MIR378E	chr5:169064250-169510386	0	0	0	1
XLOC_017472	FOXI1	chr5:169532916-169536725	0	0	0	1
XLOC_017473	C5orf58	chr5:169659949-169673233	0	0	0	1
XLOC_017475	KCNIP1	chr5:169780880-170163636	0	0	0	1
XLOC_017476	GABRP	chr5:170210722-170241050	0	0	0	1
XLOC_017478	TLX3	chr5:170736287-170739138	0	0	0	1
XLOC_017491	C5orf47	chr5:173416161-173433143	0	0	0	1
XLOC_017494	MIR4634	chr5:174178736-174178790	0	0	0	1
XLOC_017496	HRH2	chr5:175085039-175113245	0	0	0	1
XLOC_017497	CPLX2	chr5:175223609-175311023	0	0	0	1
XLOC_017498	FAM153B	chr5:175490711-175541801	0	0	0	1
XLOC_017505	EIF4E1B	chr5:176057682-176073642	0	0	0	1
XLOC_017513	SLC34A1	chr5:176811431-176825845	0	0	0	1
XLOC_017526	ZNF879	chr5:178450775-178461385	0	0	0	1
XLOC_017527	ZNF354C	chr5:178487606-178507691	0	0	0	1
XLOC_017534	LINC00847	chr5:180256953-180262726	0	0	0	1
XLOC_017535	BTNL8	chr5:180326076-180377906	0	0	0	1
XLOC_017536	BTNL3	chr5:180415844-180433727	0	0	0	1
XLOC_017538	OR2V2	chr5:180581942-180582890	0	0	0	1
XLOC_017540	LOC100132062,LOC100133	chr5:180750506-180755196	0	0	0	1
XLOC_017541	OR4F3	chr5:180794287-180795226	0	0	0	1
XLOC_017546	MIR4456	chr5:535954-535997	0	0	0	1
XLOC_017550	LOC100506688	chr5:988424-997455	0	0	0	1
XLOC_017552	MIR4635	chr5:1050488-1112172	0	0	0	1
XLOC_017554	MIR4457	chr5:1309424-1309492	0	0	0	1
XLOC_017556	SLC6A3	chr5:1392904-1445543	0	0	0	1
XLOC_017560	MIR4277	chr5:1708899-1708983	0	0	0	1
XLOC_017562	IRX4	chr5:1877540-1882880	0	0	0	1
XLOC_017564	LOC285577	chr5:3417265-3536208	0	0	0	1
XLOC_017568	MIR4278	chr5:6827965-6828034	0	0	0	1
XLOC_017569	MIR4454	chr5:7269415-7269467	0	0	0	1
XLOC_017570	LOC442132	chr5:7299486-7306827	0	0	0	1
XLOC_017571	C5orf49	chr5:7830490-7851603	0	0	0	1
XLOC_017575	MIR4636	chr5:9035137-9546233	0	0	0	1
XLOC_017576	TAS2R1	chr5:9629108-9630463	0	0	0	1
XLOC_017577	LOC285692	chr5:9641426-9903936	0	0	0	1
XLOC_017581	CTNND2	chr5:10971951-11904110	0	0	0	1
XLOC_017584	MIR4637	chr5:14704908-14871887	0	0	0	1
XLOC_017585	MARCH11	chr5:16067473-16179897	0	0	0	1
XLOC_017590	LOC401177	chr5:17379014-17387419	0	0	0	1
XLOC_017591	CDH18	chr5:19473154-19988353	0	0	0	1

XLOC_017593	CDH10	chr5:24487208-24645085	0	0	0	1
XLOC_017594	LOC340107	chr5:24835388-24840692	0	0	0	1
XLOC_017595	CDH9	chr5:26880708-27038689	0	0	0	1
XLOC_017597	MIR4279	chr5:31799030-32111038	0	0	0	1
XLOC_017601	ADAMTS12	chr5:33527286-33892124	0	0	0	1
XLOC_017606	PRLR	chr5:35048860-35230823	0	0	0	1
XLOC_017607	CAPSL	chr5:35904397-35938881	0	0	0	1
XLOC_017609	UGT3A2	chr5:36035118-36067023	0	0	0	1
XLOC_017611	MIR580	chr5:36103413-36152015	0	0	0	1
XLOC_017617	GDNF	chr5:37812778-37839782	0	0	0	1
XLOC_017618	EGFLAM-AS4	chr5:38258510-38465582	0	0	0	1
XLOC_017619	LIFR	chr5:38475064-38595507	0	0	0	1
XLOC_017620	MIR3650	chr5:38475064-38595507	0	0	0	1
XLOC_017622	FYB	chr5:39105353-39270759	0	0	0	1
XLOC_017623	C9	chr5:39284377-39364655	0	0	0	1
XLOC_017629	SNORD72	chr5:40831429-40835387	0	0	0	1
XLOC_017630	MROH2B	chr5:40998121-41071444	0	0	0	1
XLOC_017631	C6	chr5:41142247-41261540	0	0	0	1
XLOC_017632	PLCXD3	chr5:41307047-41510730	0	0	0	1
XLOC_017639	CCL28	chr5:43381599-43412488	0	0	0	1
XLOC_017644	FGF10	chr5:44305096-44388784	0	0	0	1
XLOC_017645	HCN1	chr5:45255051-45696220	0	0	0	1
XLOC_017650	MIR581	chr5:53180613-53606403	0	0	0	1
XLOC_017651	ESM1	chr5:54273694-54281414	0	0	0	1
XLOC_017653	MIR449A	chr5:54408798-54469005	0	0	0	1
XLOC_017654	MIR449B	chr5:54408798-54469005	0	0	0	1
XLOC_017655	MIR449C	chr5:54408798-54469005	0	0	0	1
XLOC_017660	MIR5687	chr5:54603575-54830873	0	0	0	1
XLOC_017664	ANKRD55	chr5:55395506-55529186	0	0	0	1
XLOC_017666	ACTBL2	chr5:56775842-56778636	0	0	0	1
XLOC_017674	HTR1A	chr5:63255874-63258119	0	0	0	1
XLOC_017681	CD180	chr5:66478103-66492617	0	0	0	1
XLOC_017693	ZNF366	chr5:71739233-71803249	0	0	0	1
XLOC_017703	F2RL2	chr5:75699148-76003957	0	0	0	1
XLOC_017707	OTP	chr5:76924536-76934522	0	0	0	1
XLOC_017716	LOC644936	chr5:79594916-79596297	0	0	0	1
XLOC_017718	ANKRD34B	chr5:79852573-79866304	0	0	0	1
XLOC_017727	HAPLN1	chr5:82934016-83016896	0	0	0	1
XLOC_017728	EDIL3	chr5:83238125-83680611	0	0	0	1
XLOC_017729	MIR4280	chr5:86410695-86410771	0	0	0	1
XLOC_017732	LINC00461,MIR9-2	chr5:87836596-87980620	0	0	0	1
XLOC_017733	MEF2C	chr5:88014057-88199922	0	0	0	1
XLOC_017734	MIR3660	chr5:89312437-89312537	0	0	0	1
XLOC_017748	PCSK1	chr5:95726039-95768985	0	0	0	1
XLOC_017750	LIX1	chr5:96427573-96478520	0	0	0	1
XLOC_017756	SLCO4C1	chr5:101569691-101632253	0	0	0	1
XLOC_017757	SLCO6A1	chr5:101707651-101834720	0	0	0	1
XLOC_017764	TMEM232	chr5:109755197-110062450	0	0	0	1
XLOC_017770	TSSK1B	chr5:112312406-112824527	0	0	0	1
XLOC_017781	MGC32805	chr5:121647819-121814782	0	0	0	1
XLOC_017784	ZNF608	chr5:123972609-124080805	0	0	0	1
XLOC_017789	FBN2	chr5:127593600-127873735	0	0	0	1
XLOC_017790	MIR4460	chr5:128732754-128732840	0	0	0	1
XLOC_017797	MIR3936	chr5:131630144-131731306	0	0	0	1
XLOC_017799	IL5	chr5:131877135-131879214	0	0	0	1
XLOC_017806	FSTL4	chr5:132532151-132948222	0	0	0	1
XLOC_017807	MIR1289-2	chr5:132532151-132948222	0	0	0	1
XLOC_017816	LOC340073	chr5:134571923-134583867	0	0	0	1
XLOC_017818	C5orf20	chr5:134779903-134783038	0	0	0	1
XLOC_017819	TIFAB	chr5:134784557-134788085	0	0	0	1
XLOC_017823	IL9	chr5:135227934-135231516	0	0	0	1
XLOC_017824	LECT2	chr5:135282599-135290722	0	0	0	1
XLOC_017825	VTRNA2-1	chr5:135416186-135416286	0	0	0	1
XLOC_017828	TRPC7	chr5:135548998-135701116	0	0	0	1
XLOC_017831	MIR874	chr5:136953188-137071775	0	0	0	1
XLOC_017834	NME5	chr5:137450860-137475132	0	0	0	1
XLOC_017841	SNORD63	chr5:137890570-137911311	0	0	0	1
XLOC_017867	LOC729080	chr5:141275190-141276260	0	0	0	1
XLOC_017872	ARHGAP26-AS1	chr5:142150291-142608572	0	0	0	1
XLOC_017873	NR3C1	chr5:142657495-142815077	0	0	0	1
XLOC_017876	GRXCR2	chr5:145239295-145252537	0	0	0	1
XLOC_017880	PPP2R2B	chr5:145969066-146461082	0	0	0	1
XLOC_017881	PPP2R2B-IT1	chr5:145969066-146461082	0	0	0	1
XLOC_017885	C5orf46	chr5:147272270-147286107	0	0	0	1
XLOC_017886	HTR4	chr5:147830594-148033735	0	0	0	1
XLOC_017894	CAMK2A	chr5:149599053-149669402	0	0	0	1
XLOC_017905	SLC36A3	chr5:150655925-150683332	0	0	0	1
XLOC_017908	SPARC	chr5:151040656-151066612	0	0	0	1
XLOC_017910	GLRA1	chr5:151202073-151304397	0	0	0	1

XLOC_017911	NMUR2	chr5:151771101-15178484	0	0	0	1
XLOC_017914	HAND1	chr5:153854531-15385782	0	0	0	1
XLOC_017915	MIR3141	chr5:153975571-15397563	0	0	0	1
XLOC_017922	FAM71B	chr5:156589343-15659327	0	0	0	1
XLOC_017925	SOX30	chr5:157052686-15707942	0	0	0	1
XLOC_017927	EBF1	chr5:158122922-15852678	0	0	0	1
XLOC_017929	IL12B	chr5:158741790-15875748	0	0	0	1
XLOC_017930	LOC285627	chr5:158875563-15889328	0	0	0	1
XLOC_017936	ATP10B	chr5:159990126-16027921	0	0	0	1
XLOC_017937	LOC285629	chr5:160358785-16036563	0	0	0	1
XLOC_017938	GABRB2	chr5:160715435-16097513	0	0	0	1
XLOC_017941	MIR103A1	chr5:167982627-16800661	0	0	0	1
XLOC_017942	SLIT3	chr5:168088737-16872813	0	0	0	1
XLOC_017943	MIR218-2	chr5:168088737-16872813	0	0	0	1
XLOC_017944	MIR585	chr5:168088737-16872813	0	0	0	1
XLOC_017945	FAM196B	chr5:169064250-16951038	0	0	0	1
XLOC_017946	LCP2	chr5:169675087-16972482	0	0	0	1
XLOC_017948	MIR3912	chr5:170813659-17081376	0	0	0	1
XLOC_017956	STC2	chr5:172741725-17275650	0	0	0	1
XLOC_017958	FLJ16171	chr5:174346084-17442273	0	0	0	1
XLOC_017959	DRD1	chr5:174867674-17487116	0	0	0	1
XLOC_017967	SNCB	chr5:176047209-17605755	0	0	0	1
XLOC_017968	MIR4281	chr5:176047209-17605755	0	0	0	1
XLOC_017983	FAM153A	chr5:177150364-17720750	0	0	0	1
XLOC_017984	PROP1	chr5:177419235-17742324	0	0	0	1
XLOC_017998	MIR1229	chr5:179224597-17928584	0	0	0	1
XLOC_018002	MIR340	chr5:179382473-17949910	0	0	0	1
XLOC_018006	SCGB3A1	chr5:180017104-18001848	0	0	0	1
XLOC_018008	OR2Y1	chr5:180166122-18016705	0	0	0	1
XLOC_018012	OR2V1	chr5:180551356-18055230	0	0	0	1
XLOC_018014	MIR4638	chr5:180649565-18064963	0	0	0	1
XLOC_018016	SNORD96A	chr5:180663927-18067090	0	0	0	1
XLOC_018021	FOXQ1	chr6:1312674-1314993	0	0	0	1
XLOC_018022	FOXF2	chr6:1390068-1395832	0	0	0	1
XLOC_018031	FAM50B	chr6:3849631-3851551	0	0	0	1
XLOC_018033	C6orf201	chr6:4068592-4135831	0	0	0	1
XLOC_018035	PPP1R3G	chr6:5085719-5087455	0	0	0	1
XLOC_018037	LY86	chr6:6346697-6655216	0	0	0	1
XLOC_018045	HULC	chr6:8435855-8785678	0	0	0	1
XLOC_018047	MIR5689	chr6:10439949-10440027	0	0	0	1
XLOC_018055	TMEM170B	chr6:11538459-11583757	0	0	0	1
XLOC_018061	RNF182	chr6:13924676-13980240	0	0	0	1
XLOC_018065	MIR4639	chr6:16129316-16148478	0	0	0	1
XLOC_018067	STMND1	chr6:17102488-17131603	0	0	0	1
XLOC_018068	RBM24	chr6:17281808-17294099	0	0	0	1
XLOC_018073	MIR548A1	chr6:18572014-18572111	0	0	0	1
XLOC_018074	ID4	chr6:19837600-19842431	0	0	0	1
XLOC_018078	LINC00340	chr6:21666674-22194616	0	0	0	1
XLOC_018079	HDGFL1	chr6:22569677-22570750	0	0	0	1
XLOC_018087	SCGN	chr6:25652428-25702008	0	0	0	1
XLOC_018088	HIST1H2BA	chr6:25727136-25727573	0	0	0	1
XLOC_018089	HIST1H2APS1	chr6:25732660-25733089	0	0	0	1
XLOC_018090	SLC17A4	chr6:25754926-25781403	0	0	0	1
XLOC_018094	HIST1H3C	chr6:26045638-26046097	0	0	0	1
XLOC_018105	HIST1H4F	chr6:26240653-26241021	0	0	0	1
XLOC_018114	BTN1A1	chr6:26501494-26510652	0	0	0	1
XLOC_018115	HCG11	chr6:26521933-26527612	0	0	0	1
XLOC_018122	MIR3143	chr6:27115404-27115467	0	0	0	1
XLOC_018124	VN1R10P	chr6:27292539-27293741	0	0	0	1
XLOC_018126	LOC100507173	chr6:27661813-27678001	0	0	0	1
XLOC_018133	HIST1H2AL	chr6:27833106-27833576	0	0	0	1
XLOC_018145	GPX5	chr6:28493788-28502728	0	0	0	1
XLOC_018146	LOC100129636	chr6:29003999-29044517	0	0	0	1
XLOC_018147	OR2J3	chr6:29079667-29080603	0	0	0	1
XLOC_018148	OR2J2	chr6:29141310-29142351	0	0	0	1
XLOC_018149	OR14J1	chr6:29274466-29275432	0	0	0	1
XLOC_018150	OR12D2	chr6:29364415-29365448	0	0	0	1
XLOC_018151	OR10C1	chr6:29407715-29408754	0	0	0	1
XLOC_018153	LOC100507362	chr6:29497182-29501345	0	0	0	1
XLOC_018154	SNORD32B	chr6:29550028-29550105	0	0	0	1
XLOC_018156	MOG	chr6:29624757-29640149	0	0	0	1
XLOC_018173	MIR877	chr6:30539169-30559309	0	0	0	1
XLOC_018179	MIR4640	chr6:30851860-30867933	0	0	0	1
XLOC_018183	MUC21	chr6:30951484-30957675	0	0	0	1
XLOC_018184	MUC22	chr6:30973728-31003179	0	0	0	1
XLOC_018185	HCG22	chr6:31021226-31027655	0	0	0	1
XLOC_018191	HCG26	chr6:31439005-31440185	0	0	0	1
XLOC_018198	AIF1	chr6:31582993-31584798	0	0	0	1
XLOC_018204	LY6G6F	chr6:31674683-31678372	0	0	0	1

XLOC_018211	SNORD48	chr6:31802692-31807541	0	0	0	1
XLOC_018212	SNORD52	chr6:31802692-31807541	0	0	0	1
XLOC_018219	STK19	chr6:31981517-31981961	0	0	0	1
XLOC_018224	HCG23	chr6:32358286-32361468	0	0	0	1
XLOC_018225	HLA-DRA	chr6:32407618-32412826	0	0	0	1
XLOC_018226	HLA-DQA1	chr6:32605182-32611429	0	0	0	1
XLOC_018227	HLA-DQA2	chr6:32709162-32714664	0	0	0	1
XLOC_018232	HLA-DPB1	chr6:33032345-33057473	0	0	0	1
XLOC_018233	HLA-DPB2	chr6:33080292-33096890	0	0	0	1
XLOC_018236	MIR219-1	chr6:33175611-33175721	0	0	0	1
XLOC_018260	CLPSL2	chr6:35744391-35747329	0	0	0	1
XLOC_018261	CLPSL1	chr6:35748830-35755841	0	0	0	1
XLOC_018272	PH16	chr6:36916038-36932613	0	0	0	1
XLOC_018273	FGD2	chr6:36973422-36996845	0	0	0	1
XLOC_018279	DNAH8	chr6:38683116-38998574	0	0	0	1
XLOC_018280	GLP1R	chr6:39016556-39055520	0	0	0	1
XLOC_018281	DAAM2	chr6:39760158-39902290	0	0	0	1
XLOC_018282	TDRG1	chr6:40346162-40347631	0	0	0	1
XLOC_018286	TREML4	chr6:41196061-41206120	0	0	0	1
XLOC_018287	TREML5P	chr6:41217114-41217327	0	0	0	1
XLOC_018288	NCR2	chr6:41303527-41318625	0	0	0	1
XLOC_018290	MIR4641	chr6:41514163-41570122	0	0	0	1
XLOC_018298	ATP6V0CP3	chr6:42695313-42695932	0	0	0	1
XLOC_018301	PTCRA	chr6:42883726-42893575	0	0	0	1
XLOC_018311	TTBK1	chr6:43211221-43255997	0	0	0	1
XLOC_018312	SLC22A7	chr6:43265997-43276530	0	0	0	1
XLOC_018327	SPATS1	chr6:44310396-44344904	0	0	0	1
XLOC_018329	MIR4642	chr6:44355250-44418161	0	0	0	1
XLOC_018334	ANKRD66	chr6:46714653-46726954	0	0	0	1
XLOC_018335	MEP1A	chr6:46761093-46807519	0	0	0	1
XLOC_018338	GPR115	chr6:47666288-47689757	0	0	0	1
XLOC_018339	OPN5	chr6:47749774-47794116	0	0	0	1
XLOC_018341	GLYATL3	chr6:49467670-49495777	0	0	0	1
XLOC_018343	TFAP2D	chr6:50681256-50740746	0	0	0	1
XLOC_018344	TFAP2B	chr6:50786438-50815326	0	0	0	1
XLOC_018345	MIR206	chr6:52009146-52009232	0	0	0	1
XLOC_018346	MIR133B	chr6:52013720-52013839	0	0	0	1
XLOC_018347	IL17A	chr6:52051184-52055436	0	0	0	1
XLOC_018353	MIR5685	chr6:53132195-53213977	0	0	0	1
XLOC_018355	MLIP-IT1	chr6:53863687-53871950	0	0	0	1
XLOC_018356	MLIP	chr6:53883713-54131078	0	0	0	1
XLOC_018357	TINAG	chr6:54173202-54254950	0	0	0	1
XLOC_018359	HCRTR2	chr6:55039070-55147418	0	0	0	1
XLOC_018360	GFRAL	chr6:55192266-55267291	0	0	0	1
XLOC_018361	BEND6	chr6:56819772-56892142	0	0	0	1
XLOC_018369	SLC25A51P1	chr6:66497771-66499376	0	0	0	1
XLOC_018370	BAI3	chr6:69345631-70099403	0	0	0	1
XLOC_018372	FAM135A	chr6:71123106-71270877	0	0	0	1
XLOC_018378	KHDC3L	chr6:74072399-74073898	0	0	0	1
XLOC_018388	RNY4	chr6:80451635-80451669	0	0	0	1
XLOC_018394	PRSS35	chr6:84222193-84235421	0	0	0	1
XLOC_018395	RIPPLY2	chr6:84562984-84567234	0	0	0	1
XLOC_018399	HTR1E	chr6:87647023-87726397	0	0	0	1
XLOC_018407	SPACA1	chr6:88757506-88776550	0	0	0	1
XLOC_018412	GJA10	chr6:90604187-90605819	0	0	0	1
XLOC_018413	MIR4464	chr6:91022460-91022552	0	0	0	1
XLOC_018414	MIR4643	chr6:92231377-92231455	0	0	0	1
XLOC_018417	FUT9	chr6:96463844-96663488	0	0	0	1
XLOC_018419	FHL5	chr6:97010423-97064512	0	0	0	1
XLOC_018421	MIR2113	chr6:98472406-98472495	0	0	0	1
XLOC_018422	POU3F2	chr6:99282579-99286666	0	0	0	1
XLOC_018425	LOC728012	chr6:100367785-100524295	0	0	0	1
XLOC_018426	GRIK2	chr6:101846860-102517955	0	0	0	1
XLOC_018427	LIN28B	chr6:105404922-105531207	0	0	0	1
XLOC_018428	BVES-AS1	chr6:105585561-105627855	0	0	0	1
XLOC_018434	NR2E1	chr6:108487214-108510013	0	0	0	1
XLOC_018440	CCDC162P	chr6:109615505-109629423	0	0	0	1
XLOC_018443	GPR6	chr6:110300297-110301924	0	0	0	1
XLOC_018453	RFPL4B	chr6:112668531-112672495	0	0	0	1
XLOC_018455	FLJ34503	chr6:114225550-114242805	0	0	0	1
XLOC_018461	FAM26D	chr6:116817650-116880037	0	0	0	1
XLOC_018465	RFX6	chr6:117198375-117253325	0	0	0	1
XLOC_018466	VGLL2	chr6:117586720-117594725	0	0	0	1
XLOC_018472	LOC100287632	chr6:119103870-119104587	0	0	0	1
XLOC_018479	CLVS2	chr6:123317581-123385063	0	0	0	1
XLOC_018480	NKAIN2	chr6:124125068-125146785	0	0	0	1
XLOC_018483	LOC643623	chr6:125995498-126041364	0	0	0	1
XLOC_018489	RSP03	chr6:127440047-127518184	0	0	0	1
XLOC_018494	TMEM200A	chr6:130687425-130764210	0	0	0	1

XLOC_018497	ARG1	chr6:131894343-131949378	0	0	0	1
XLOC_018500	LOC100507254	chr6:132455117-132490514	0	0	0	1
XLOC_018501	TAAR9	chr6:132859426-132860478	0	0	0	1
XLOC_018502	TAAR8	chr6:132873831-132874860	0	0	0	1
XLOC_018503	TAAR6	chr6:132891460-132892498	0	0	0	1
XLOC_018505	SNORD101	chr6:133135707-133138703	0	0	0	1
XLOC_018506	SNORD100	chr6:133135707-133138703	0	0	0	1
XLOC_018508	LINC00326	chr6:133409218-133427717	0	0	0	1
XLOC_018509	EYA4	chr6:133562494-133853258	0	0	0	1
XLOC_018510	MGC34034	chr6:134142284-134175130	0	0	0	1
XLOC_018511	TCF21	chr6:134210258-134216678	0	0	0	1
XLOC_018513	LOC154092	chr6:134758853-134825158	0	0	0	1
XLOC_018515	LINC00271	chr6:135818938-136011978	0	0	0	1
XLOC_018527	LOC100132735	chr6:140092209-140181608	0	0	0	1
XLOC_018528	MIR3668	chr6:140526388-140526463	0	0	0	1
XLOC_018529	MIR4465	chr6:141004950-141005020	0	0	0	1
XLOC_018536	ZC2HC1B	chr6:144185572-144259483	0	0	0	1
XLOC_018540	GRM1	chr6:146348781-146758737	0	0	0	1
XLOC_018541	RAB32	chr6:146864827-146876088	0	0	0	1
XLOC_018542	ADGB	chr6:146920135-147136597	0	0	0	1
XLOC_018554	PPP1R14C	chr6:150464187-150571528	0	0	0	1
XLOC_018555	IYD	chr6:150690027-150725768	0	0	0	1
XLOC_018561	ESR1	chr6:152011630-152424408	0	0	0	1
XLOC_018564	OPRM1	chr6:154331630-154677900	0	0	0	1
XLOC_018570	MIR3692	chr6:157802556-158094977	0	0	0	1
XLOC_018573	SYNJ2-IT1	chr6:158402887-158520207	0	0	0	1
XLOC_018579	FNDC1	chr6:159590428-159693140	0	0	0	1
XLOC_018584	MAS1	chr6:160327973-160329107	0	0	0	1
XLOC_018593	LINC00602	chr6:166337535-166403103	0	0	0	1
XLOC_018597	TCP10L2	chr6:167584080-167596396	0	0	0	1
XLOC_018598	UNC93A	chr6:167704802-167729502	0	0	0	1
XLOC_018599	TTL2	chr6:167738573-167756177	0	0	0	1
XLOC_018601	KIF25	chr6:168418552-168445768	0	0	0	1
XLOC_018602	SMOC2	chr6:168841830-169068674	0	0	0	1
XLOC_018607	MIR4644	chr6:170615843-170714237	0	0	0	1
XLOC_018611	LOC285768	chr6:961240-1101567	0	0	0	1
XLOC_018616	MIR4645	chr6:2854264-2854341	0	0	0	1
XLOC_018625	PXDC1	chr6:3722835-3752246	0	0	0	1
XLOC_018626	FAM217A	chr6:4068592-4135831	0	0	0	1
XLOC_018630	MIR3691	chr6:5108652-5261172	0	0	0	1
XLOC_018632	F13A1	chr6:6144310-6320924	0	0	0	1
XLOC_018633	LY86-AS1	chr6:6346697-6655216	0	0	0	1
XLOC_018635	CAGE1	chr6:7326886-7389942	0	0	0	1
XLOC_018637	SCARNA27	chr6:7727010-8102828	0	0	0	1
XLOC_018643	GCM2	chr6:10873455-10882098	0	0	0	1
XLOC_018644	ELOVL2	chr6:10980992-11079377	0	0	0	1
XLOC_018657	NHLRC1	chr6:18120717-18122851	0	0	0	1
XLOC_018661	LOC729177	chr6:21666674-22194616	0	0	0	1
XLOC_018662	PRL	chr6:22287472-22303082	0	0	0	1
XLOC_018668	FAM65B	chr6:24804512-24911195	0	0	0	1
XLOC_018669	CMAHP	chr6:25081294-25138620	0	0	0	1
XLOC_018670	HIST1H2AA	chr6:25726290-25726790	0	0	0	1
XLOC_018671	SLC17A1	chr6:25783125-25832287	0	0	0	1
XLOC_018672	SLC17A3	chr6:25845327-25874471	0	0	0	1
XLOC_018673	SLC17A2	chr6:25912983-25930946	0	0	0	1
XLOC_018678	HIST1H2BB	chr6:26043454-26043885	0	0	0	1
XLOC_018686	HIST1H4G	chr6:26246838-26247205	0	0	0	1
XLOC_018696	POM121L2	chr6:27276841-27280011	0	0	0	1
XLOC_018701	HIST1H4K	chr6:27798951-27799305	0	0	0	1
XLOC_018705	HIST1H4L	chr6:27840925-27841289	0	0	0	1
XLOC_018708	OR2B2	chr6:27878962-27880174	0	0	0	1
XLOC_018713	ZSCAN23	chr6:28400431-28411279	0	0	0	1
XLOC_018714	GPX6	chr6:28471072-28483570	0	0	0	1
XLOC_018718	ZNF311	chr6:28962593-28973037	0	0	0	1
XLOC_018719	OR2W1	chr6:29003999-29044517	0	0	0	1
XLOC_018721	OR5V1	chr6:29323006-29324054	0	0	0	1
XLOC_018722	OR12D3	chr6:29341199-29343068	0	0	0	1
XLOC_018723	OR11A1	chr6:29393280-29395509	0	0	0	1
XLOC_018724	MAS1L	chr6:29454542-29455679	0	0	0	1
XLOC_018725	UBD	chr6:29523388-29527702	0	0	0	1
XLOC_018727	ZFP57	chr6:29640168-29644931	0	0	0	1
XLOC_018729	IFITM4P	chr6:29718583-29718925	0	0	0	1
XLOC_018730	HCG4	chr6:29758807-29765584	0	0	0	1
XLOC_018735	TRIM10	chr6:30119722-30128711	0	0	0	1
XLOC_018747	SFTA2	chr6:30899126-30899952	0	0	0	1
XLOC_018748	C6orf15	chr6:31078999-31080332	0	0	0	1
XLOC_018757	SNORD117	chr6:31496738-31514625	0	0	0	1
XLOC_018758	SNORD84	chr6:31496738-31514625	0	0	0	1
XLOC_018766	MIR4646	chr6:31654725-31671137	0	0	0	1

XLOC_018767	LY6G6E	chr6:31679752-31681842	0	0	0	1
XLOC_018780	MIR1236	chr6:31919863-31937532	0	0	0	1
XLOC_018782	TNXB	chr6:31973358-31981050	0	0	0	1
XLOC_018792	C6orf10	chr6:32260474-32339656	0	0	0	1
XLOC_018793	BTNL2	chr6:32362512-32374900	0	0	0	1
XLOC_018797	HLA-DQB1	chr6:32627240-32634466	0	0	0	1
XLOC_018798	HLA-DQB2	chr6:32723874-32731330	0	0	0	1
XLOC_018805	HLA-DOA	chr6:32971959-32977389	0	0	0	1
XLOC_018818	IP6K3	chr6:33689442-33714762	0	0	0	1
XLOC_018820	MLN	chr6:33762448-33771793	0	0	0	1
XLOC_018821	LOC100507584	chr6:33857287-33864684	0	0	0	1
XLOC_018822	MIR1275	chr6:33967748-33967828	0	0	0	1
XLOC_018823	GRM4	chr6:33989622-34123399	0	0	0	1
XLOC_018833	MIR5690	chr6:35541361-35704724	0	0	0	1
XLOC_018837	C6orf222	chr6:36283534-36304662	0	0	0	1
XLOC_018838	ETV7	chr6:36321997-36355577	0	0	0	1
XLOC_018841	MIR3925	chr6:36590212-36590289	0	0	0	1
XLOC_018847	MIR4462	chr6:37523140-37523198	0	0	0	1
XLOC_018848	MDGA1	chr6:37600283-37665766	0	0	0	1
XLOC_018851	LOC100131047	chr6:38683116-38998574	0	0	0	1
XLOC_018854	KCNK17	chr6:39266776-39282237	0	0	0	1
XLOC_018855	KCNK16	chr6:39282473-39290330	0	0	0	1
XLOC_018856	KIF6	chr6:39302875-39693181	0	0	0	1
XLOC_018857	MOCS1	chr6:39760158-39902290	0	0	0	1
XLOC_018858	FLJ41649	chr6:40312083-40323745	0	0	0	1
XLOC_018859	LRFN2	chr6:40359372-40555126	0	0	0	1
XLOC_018862	TREML1	chr6:41116998-41122087	0	0	0	1
XLOC_018864	TREML2	chr6:41157551-41168925	0	0	0	1
XLOC_018865	TREML3P	chr6:41176291-41185685	0	0	0	1
XLOC_018868	PGC	chr6:41704448-41715139	0	0	0	1
XLOC_018885	CRIP3	chr6:43265997-43276530	0	0	0	1
XLOC_018887	DLK2	chr6:43395291-43423786	0	0	0	1
XLOC_018899	MIR586	chr6:44794466-45518819	0	0	0	1
XLOC_018900	CLIC5	chr6:45866189-46048085	0	0	0	1
XLOC_018904	PLA2G7	chr6:46655611-46703430	0	0	0	1
XLOC_018905	GPR116	chr6:46820241-46922675	0	0	0	1
XLOC_018910	RHAG	chr6:49572889-49604587	0	0	0	1
XLOC_018911	CRISP2	chr6:49660070-49681303	0	0	0	1
XLOC_018912	CRISP3	chr6:49695091-49712168	0	0	0	1
XLOC_018913	PGK2	chr6:49753363-49755053	0	0	0	1
XLOC_018914	CRISP1	chr6:49801978-49844809	0	0	0	1
XLOC_018915	DEFB133	chr6:49913813-49917157	0	0	0	1
XLOC_018916	DEFB114	chr6:49928004-49931818	0	0	0	1
XLOC_018917	DEFB113	chr6:49936389-49937338	0	0	0	1
XLOC_018918	DEFB110	chr6:49976850-49989694	0	0	0	1
XLOC_018919	DEFB112	chr6:50011287-50016364	0	0	0	1
XLOC_018920	PKHD1	chr6:51480144-51952423	0	0	0	1
XLOC_018921	IL17F	chr6:52101483-52109298	0	0	0	1
XLOC_018924	GSTA7P	chr6:52604260-52609957	0	0	0	1
XLOC_018925	GSTA2	chr6:52614884-52628361	0	0	0	1
XLOC_018926	GSTA1	chr6:52656177-52668664	0	0	0	1
XLOC_018927	GSTA5	chr6:52696540-52710893	0	0	0	1
XLOC_018928	GSTA3	chr6:52761438-52774496	0	0	0	1
XLOC_018932	ELOVL5	chr6:53132195-53213977	0	0	0	1
XLOC_018933	RPS16P5	chr6:53132195-53213977	0	0	0	1
XLOC_018936	HMGCLL1	chr6:55299170-55444012	0	0	0	1
XLOC_018937	BMP5	chr6:55620237-55740375	0	0	0	1
XLOC_018938	COL21A1	chr6:55921387-56112378	0	0	0	1
XLOC_018939	RNU6-71	chr6:56137688-56615138	0	0	0	1
XLOC_018943	KHDRBS2	chr6:62389864-62996100	0	0	0	1
XLOC_018947	COL9A1	chr6:70925742-71012786	0	0	0	1
XLOC_018949	MIR30C2	chr6:72086662-72086734	0	0	0	1
XLOC_018950	MIR30A	chr6:72113253-72113324	0	0	0	1
XLOC_018951	LINC00472	chr6:72124148-72130448	0	0	0	1
XLOC_018952	MIR4282	chr6:73331570-73908573	0	0	0	1
XLOC_018953	KCNQ5-AS1	chr6:73331570-73908573	0	0	0	1
XLOC_018954	KHDC1L	chr6:73933267-73935175	0	0	0	1
XLOC_018955	KHDC1	chr6:73951037-74020088	0	0	0	1
XLOC_018956	DPPA5	chr6:74062784-74063999	0	0	0	1
XLOC_018961	COL12A1	chr6:75794041-75915623	0	0	0	1
XLOC_018966	HTR1B	chr6:78171947-78173120	0	0	0	1
XLOC_018970	C6orf7	chr6:80513303-80580137	0	0	0	1
XLOC_018971	ELOVL4	chr6:80624528-80657315	0	0	0	1
XLOC_018976	ME1	chr6:83920109-84140938	0	0	0	1
XLOC_018977	SNAP91	chr6:84262604-84419127	0	0	0	1
XLOC_018979	TBX18	chr6:85442215-85473954	0	0	0	1
XLOC_018984	SNORD50B	chr6:86386724-86388451	0	0	0	1
XLOC_018985	CGA	chr6:87795215-87804865	0	0	0	1
XLOC_018989	CNR1	chr6:88849584-88875767	0	0	0	1

XLOC_018992	GABRR1	chr6:89887222-89941007	0	0	0	1
XLOC_018998	BACH2	chr6:90636246-91006627	0	0	0	1
XLOC_019000	EPHA7	chr6:93949739-94129300	0	0	0	1
XLOC_019003	MIR548H3	chr6:97372495-97862283	0	0	0	1
XLOC_019011	MCHR2	chr6:100367785-10052429	0	0	0	1
XLOC_019012	SIM1	chr6:100836749-10091155	0	0	0	1
XLOC_019015	LINC00577	chr6:105384168-10538840	0	0	0	1
XLOC_019017	POPDC3	chr6:105585561-10562785	0	0	0	1
XLOC_019021	LOC100422737	chr6:107165326-10723530	0	0	0	1
XLOC_019024	SCML4	chr6:108023363-10814552	0	0	0	1
XLOC_019035	METTL24	chr6:110567148-11067947	0	0	0	1
XLOC_019037	SLC22A16	chr6:110745891-11079784	0	0	0	1
XLOC_019039	GSTM2P1	chr6:111367621-11136875	0	0	0	1
XLOC_019044	LAMA4	chr6:112429133-11257591	0	0	0	1
XLOC_019045	LOC285758	chr6:114189178-11419451	0	0	0	1
XLOC_019047	HS3ST5	chr6:114376749-11438404	0	0	0	1
XLOC_019052	BET3L	chr6:116817650-11688003	0	0	0	1
XLOC_019054	FAM162B	chr6:117073359-11708688	0	0	0	1
XLOC_019055	GPRC6A	chr6:117113247-11715019	0	0	0	1
XLOC_019056	ROS1	chr6:117609529-11774701	0	0	0	1
XLOC_019060	FAM184A	chr6:119280995-11947035	0	0	0	1
XLOC_019061	MIR548B	chr6:119280995-11947035	0	0	0	1
XLOC_019063	LOC285762	chr6:119773711-11981246	0	0	0	1
XLOC_019066	TRDN	chr6:123537483-12395823	0	0	0	1
XLOC_019069	MIR5695	chr6:126433836-12644376	0	0	0	1
XLOC_019072	THEMIS	chr6:128029338-12823977	0	0	0	1
XLOC_019075	TMEM244	chr6:130152388-13018241	0	0	0	1
XLOC_019076	SAMD3	chr6:130465446-13068657	0	0	0	1
XLOC_019079	OR2A4	chr6:131958441-13206855	0	0	0	1
XLOC_019082	MOXD1	chr6:132617193-13272266	0	0	0	1
XLOC_019084	TAAR5	chr6:132909730-13291087	0	0	0	1
XLOC_019085	TAAR3	chr6:132929363-13293044	0	0	0	1
XLOC_019086	TAAR2	chr6:132938288-13294541	0	0	0	1
XLOC_019087	TAAR1	chr6:132966122-13296714	0	0	0	1
XLOC_019088	VNN1	chr6:133001996-13303519	0	0	0	1
XLOC_019089	VNN3	chr6:133043925-13305590	0	0	0	1
XLOC_019090	VNN2	chr6:133065008-13308459	0	0	0	1
XLOC_019093	HMGA1P7	chr6:134435110-13443881	0	0	0	1
XLOC_019097	MIR3662	chr6:135281516-13537603	0	0	0	1
XLOC_019105	IL22RA2	chr6:137464956-13749478	0	0	0	1
XLOC_019107	OLIG3	chr6:137813335-13781553	0	0	0	1
XLOC_019108	LOC100130476	chr6:138144806-13820445	0	0	0	1
XLOC_019112	MIR3145	chr6:138743180-13889366	0	0	0	1
XLOC_019115	TXLNB	chr6:139561198-13961320	0	0	0	1
XLOC_019117	LOC645434	chr6:139790131-13979573	0	0	0	1
XLOC_019119	LOC153910	chr6:142847591-14295902	0	0	0	1
XLOC_019130	LOC729176	chr6:146920135-14713659	0	0	0	1
XLOC_019132	LOC100128176	chr6:149068270-14939812	0	0	0	1
XLOC_019153	NOX3	chr6:155716501-15577703	0	0	0	1
XLOC_019154	MIR4466	chr6:157099063-15753191	0	0	0	1
XLOC_019158	MIR3918	chr6:159071045-15918590	0	0	0	1
XLOC_019162	TAGAP	chr6:159456026-15946618	0	0	0	1
XLOC_019167	SNORA29	chr6:160181290-16021073	0	0	0	1
XLOC_019169	SLC22A2	chr6:160637793-16067996	0	0	0	1
XLOC_019171	LPA	chr6:160952514-16108740	0	0	0	1
XLOC_019175	PACRG-AS1	chr6:161768589-16374550	0	0	0	1
XLOC_019176	DKFZp451B082	chr6:163759373-16376806	0	0	0	1
XLOC_019177	CAHM	chr6:163834096-16383498	0	0	0	1
XLOC_019178	C6orf118	chr6:165693152-16572311	0	0	0	1
XLOC_019179	PDE10A	chr6:165740775-16607558	0	0	0	1
XLOC_019180	LINC00473	chr6:166337535-16640310	0	0	0	1
XLOC_019181	T	chr6:166571145-16658215	0	0	0	1
XLOC_019186	RPS6KA2-IT1	chr6:166822853-16727577	0	0	0	1
XLOC_019187	MIR1913	chr6:166822853-16727577	0	0	0	1
XLOC_019189	MIR3939	chr6:167411294-16741140	0	0	0	1
XLOC_019190	GPR31	chr6:167570359-16757131	0	0	0	1
XLOC_019191	TCP10	chr6:167786576-16779799	0	0	0	1
XLOC_019194	HGC6.3	chr6:168376603-16837761	0	0	0	1
XLOC_019195	FRMD1	chr6:168456463-16847983	0	0	0	1
XLOC_019196	DACT2	chr6:168707583-16872040	0	0	0	1
XLOC_019202	LOC154449	chr6:170563421-17057165	0	0	0	1
XLOC_020326	FAM20C	chr7:192968-300740	0	0	0	1
XLOC_020327	LOC100288524	chr7:330135-331454	0	0	0	1
XLOC_020328	LOC442497	chr7:419390-422845	0	0	0	1
XLOC_020336	UNCX	chr7:1272653-1276613	0	0	0	1
XLOC_020339	TFAMP1	chr7:1654105-1656328	0	0	0	1
XLOC_020372	NXP1	chr7:8473584-8792593	0	0	0	1
XLOC_020373	PER4	chr7:9673899-9675447	0	0	0	1
XLOC_020378	LOC100506025	chr7:16127151-16460947	0	0	0	1

XLOC_020379	LRRC72	chr7:16566504-16621114	0	0	0	1
XLOC_020384	MACC1-AS1	chr7:20174278-20257013	0	0	0	1
XLOC_020385	ITGB8	chr7:20370724-20455382	0	0	0	1
XLOC_020391	IL6	chr7:22766765-22771621	0	0	0	1
XLOC_020392	SNORD93	chr7:22896231-22896305	0	0	0	1
XLOC_020401	NPY	chr7:24323806-24331484	0	0	0	1
XLOC_020407	C7orf71	chr7:26677489-26686924	0	0	0	1
XLOC_020413	EVX1	chr7:27282163-27286192	0	0	0	1
XLOC_020417	LOC100506497	chr7:29019582-29186153	0	0	0	1
XLOC_020421	WIPF3	chr7:29846169-29956682	0	0	0	1
XLOC_020425	MIR550A1	chr7:30323922-30407308	0	0	0	1
XLOC_020430	GHRHR	chr7:31003635-31019146	0	0	0	1
XLOC_020432	CCDC129	chr7:31553684-31698334	0	0	0	1
XLOC_020433	PPP1R17	chr7:31726630-31748069	0	0	0	1
XLOC_020440	NPSR1	chr7:34386123-34917944	0	0	0	1
XLOC_020441	LOC401324	chr7:35353465-35416086	0	0	0	1
XLOC_020445	GPR141	chr7:37779995-37780913	0	0	0	1
XLOC_020446	NME8	chr7:37888198-37940002	0	0	0	1
XLOC_020447	EPDR1	chr7:37960162-37991542	0	0	0	1
XLOC_020449	LOC100506776	chr7:38381177-38418238	0	0	0	1
XLOC_020450	POU6F2	chr7:39017608-39504390	0	0	0	1
XLOC_020457	INHBA-AS1	chr7:41728600-41818976	0	0	0	1
XLOC_020460	MIR3943	chr7:43152197-43602938	0	0	0	1
XLOC_020468	MIR4649	chr7:44143959-44154159	0	0	0	1
XLOC_020474	RAMP3	chr7:45197366-45223850	0	0	0	1
XLOC_020475	ADCY1	chr7:45614124-45762714	0	0	0	1
XLOC_020476	IGFBP1	chr7:45927958-45933267	0	0	0	1
XLOC_020477	C7orf65	chr7:47694841-47701246	0	0	0	1
XLOC_020478	LINC00525	chr7:47801073-47806370	0	0	0	1
XLOC_020479	C7orf69	chr7:47814249-47988071	0	0	0	1
XLOC_020484	VWVC2	chr7:49813256-49952138	0	0	0	1
XLOC_020485	C7orf72	chr7:50135681-50198852	0	0	0	1
XLOC_020486	IKZF1	chr7:50344377-50472798	0	0	0	1
XLOC_020487	LOC100129427	chr7:50526133-50633154	0	0	0	1
XLOC_020488	POM121L12	chr7:53103348-53104618	0	0	0	1
XLOC_020489	VSTM2A	chr7:54610018-54639419	0	0	0	1
XLOC_020490	LOC285878	chr7:54610018-54639419	0	0	0	1
XLOC_020499	DKFZp434L192	chr7:56563915-56564977	0	0	0	1
XLOC_020500	MIR3147	chr7:57472730-57472796	0	0	0	1
XLOC_020501	ZNF716	chr7:57509882-57533265	0	0	0	1
XLOC_020502	LOC100287704	chr7:62809447-62812152	0	0	0	1
XLOC_020503	MIR4283-2	chr7:63081467-63081547	0	0	0	1
XLOC_020504	ZNF727	chr7:63505820-63538927	0	0	0	1
XLOC_020505	ZNF735	chr7:63667580-63680668	0	0	0	1
XLOC_020506	ZNF679	chr7:63688851-63727309	0	0	0	1
XLOC_020507	ZNF736	chr7:63773185-63810017	0	0	0	1
XLOC_020509	LOC641746	chr7:64042987-64044129	0	0	0	1
XLOC_020528	WBSCR17	chr7:70597522-71178586	0	0	0	1
XLOC_020529	MIR3914-2	chr7:70597522-71178586	0	0	0	1
XLOC_020530	MIR4650-1	chr7:72023728-72298813	0	0	0	1
XLOC_020534	PMS2L2	chr7:72476588-72519691	0	0	0	1
XLOC_020538	FZD9	chr7:72848108-72850450	0	0	0	1
XLOC_020541	MIR4284	chr7:73113534-73134017	0	0	0	1
XLOC_020545	ELN	chr7:73442426-73484236	0	0	0	1
XLOC_020555	GATSL1	chr7:74379082-74438803	0	0	0	1
XLOC_020557	SPDYE8P	chr7:74936532-74946587	0	0	0	1
XLOC_020558	SPDYE8P	chr7:74964559-74988306	0	0	0	1
XLOC_020565	MIR4651	chr7:75544419-75623992	0	0	0	1
XLOC_020566	SNORA14A	chr7:75544419-75623992	0	0	0	1
XLOC_020580	RPL13AP17	chr7:77646373-79100524	0	0	0	1
XLOC_020581	MAGI2-AS2	chr7:77646373-79100524	0	0	0	1
XLOC_020582	MAGI2-AS3	chr7:77646373-79100524	0	0	0	1
XLOC_020583	MIR548M	chr7:79400571-79400606	0	0	0	1
XLOC_020586	GRM3	chr7:86273229-86494192	0	0	0	1
XLOC_020592	ZNF804B	chr7:88388752-88966346	0	0	0	1
XLOC_020607	MIR4652	chr7:93346239-93346317	0	0	0	1
XLOC_020608	GNGT1	chr7:93535819-93540485	0	0	0	1
XLOC_020609	GNG11	chr7:93551015-93555826	0	0	0	1
XLOC_020610	COL1A2	chr7:94023872-94060544	0	0	0	1
XLOC_020612	PEG10	chr7:94285636-94299006	0	0	0	1
XLOC_020616	DLX6	chr7:96597826-96643377	0	0	0	1
XLOC_020618	TAC1	chr7:97361270-97369784	0	0	0	1
XLOC_020622	NPTX2	chr7:98246596-98259181	0	0	0	1
XLOC_020624	MIR3609	chr7:98476112-98610866	0	0	0	1
XLOC_020658	ZAN	chr7:100331248-100395411	0	0	0	1
XLOC_020663	MUC17	chr7:100663363-100702140	0	0	0	1
XLOC_020667	MIR4653	chr7:100797685-100804551	0	0	0	1
XLOC_020672	MIR4285	chr7:101928404-101962171	0	0	0	1
XLOC_020676	MIR4467	chr7:102105389-102119381	0	0	0	1

XLOC_020678	SPDYE2L	chr7:102277194-102312176	0	0	0	1
XLOC_020684	LHFPL3	chr7:103969103-104567092	0	0	0	1
XLOC_020688	PIK3CG	chr7:106505923-106547592	0	0	0	1
XLOC_020689	PRKAR2B	chr7:106685177-106802256	0	0	0	1
XLOC_020702	FOXP2	chr7:113726364-114333827	0	0	0	1
XLOC_020703	MIR3666	chr7:113726364-114333827	0	0	0	1
XLOC_020704	MDFIC	chr7:114562208-114659970	0	0	0	1
XLOC_020714	ANKRD7	chr7:117864711-117882784	0	0	0	1
XLOC_020715	KCND2	chr7:119913721-120390387	0	0	0	1
XLOC_020723	HYALP1	chr7:123454192-123459484	0	0	0	1
XLOC_020724	HYAL4	chr7:123485222-123517537	0	0	0	1
XLOC_020725	SPAM1	chr7:123565285-123611467	0	0	0	1
XLOC_020730	MIR593	chr7:127292201-127732656	0	0	0	1
XLOC_020731	MIR129-1	chr7:127847924-127847996	0	0	0	1
XLOC_020754	CPA2	chr7:129906702-129929637	0	0	0	1
XLOC_020756	CPA5	chr7:129984629-130008577	0	0	0	1
XLOC_020757	CPA1	chr7:130020289-130027946	0	0	0	1
XLOC_020759	MIR335	chr7:130126015-130371406	0	0	0	1
XLOC_020761	FLJ40288	chr7:132333552-132413526	0	0	0	1
XLOC_020764	AKR1B10	chr7:134212343-134226166	0	0	0	1
XLOC_020765	AKR1B15	chr7:134233848-134264592	0	0	0	1
XLOC_020770	STRA8	chr7:134916730-134943244	0	0	0	1
XLOC_020773	CHRM2	chr7:136553398-136849086	0	0	0	1
XLOC_020774	MIR490	chr7:136553398-136849086	0	0	0	1
XLOC_020775	LOC100130880	chr7:137559724-137686847	0	0	0	1
XLOC_020776	AKR1D1	chr7:137761177-137803050	0	0	0	1
XLOC_020777	MIR4468	chr7:137808503-137808567	0	0	0	1
XLOC_020783	CLEC2L	chr7:139208673-139229737	0	0	0	1
XLOC_020796	OR9A4	chr7:141618675-141619620	0	0	0	1
XLOC_020798	LOC93432	chr7:141811548-141843783	0	0	0	1
XLOC_020800	PRSS1	chr7:142457318-142460927	0	0	0	1
XLOC_020801	PRSS2	chr7:142478756-142482396	0	0	0	1
XLOC_020803	C7orf34	chr7:142636602-142637957	0	0	0	1
XLOC_020804	OR6V1	chr7:142749437-142750376	0	0	0	1
XLOC_020805	PIP	chr7:142829173-142836834	0	0	0	1
XLOC_020806	TAS2R39	chr7:142880511-142881526	0	0	0	1
XLOC_020807	TAS2R40	chr7:142919171-142920143	0	0	0	1
XLOC_020814	TAS2R60	chr7:143078359-143220546	0	0	0	1
XLOC_020815	TAS2R41	chr7:143078359-143220546	0	0	0	1
XLOC_020818	OR2F2	chr7:143632325-143633276	0	0	0	1
XLOC_020819	OR2F1	chr7:143657019-143658106	0	0	0	1
XLOC_020820	OR6B1	chr7:143701089-143702026	0	0	0	1
XLOC_020821	OR2A5	chr7:143747494-143748430	0	0	0	1
XLOC_020822	OR2A25	chr7:143771312-143772246	0	0	0	1
XLOC_020823	OR2A12	chr7:143792200-143793133	0	0	0	1
XLOC_020824	OR2A2	chr7:143806675-143807632	0	0	0	1
XLOC_020825	OR2A14	chr7:143826205-143827138	0	0	0	1
XLOC_020828	OR2A1	chr7:144015217-144016150	0	0	0	1
XLOC_020829	RNU6-57	chr7:144038210-144038237	0	0	0	1
XLOC_020832	MIR548AQ	chr7:145813452-148118086	0	0	0	1
XLOC_020833	MIR548F3	chr7:145813452-148118086	0	0	0	1
XLOC_020834	MIR548T	chr7:145813452-148118086	0	0	0	1
XLOC_020835	C7orf33	chr7:148287656-148312952	0	0	0	1
XLOC_020842	KRBA1	chr7:149412147-149431664	0	0	0	1
XLOC_020848	RNU6-33	chr7:150064035-150064063	0	0	0	1
XLOC_020852	LOC285972	chr7:150130741-150145226	0	0	0	1
XLOC_020853	GIMAP8	chr7:150147961-150176483	0	0	0	1
XLOC_020854	GIMAP7	chr7:150211944-150218167	0	0	0	1
XLOC_020855	GIMAP4	chr7:150264457-150271047	0	0	0	1
XLOC_020858	TMEM176A	chr7:150488375-150502206	0	0	0	1
XLOC_020867	WDR86-AS1	chr7:151078206-151110132	0	0	0	1
XLOC_020869	GALNTL5	chr7:151653463-151717016	0	0	0	1
XLOC_020877	HTR5A	chr7:154858778-154879102	0	0	0	1
XLOC_020879	EN2	chr7:155250823-155257526	0	0	0	1
XLOC_020887	LOC100506585	chr7:157331749-158380482	0	0	0	1
XLOC_020888	MIR5707	chr7:158384307-158384386	0	0	0	1
XLOC_020890	LINC00689	chr7:158801044-158818926	0	0	0	1
XLOC_020896	MIR339	chr7:1036622-1177893	0	0	0	1
XLOC_020903	MIR4655	chr7:1855427-2272583	0	0	0	1
XLOC_020908	CARD11	chr7:2945709-3083509	0	0	0	1
XLOC_020909	MIR4656	chr7:4815261-4834026	0	0	0	1
XLOC_020910	RADIL	chr7:4838739-4923335	0	0	0	1
XLOC_020911	PAPOLB	chr7:4838739-4923335	0	0	0	1
XLOC_020916	MIR589	chr7:5515427-5553399	0	0	0	1
XLOC_020927	GRID2IP	chr7:6536408-6591067	0	0	0	1
XLOC_020931	COL28A1	chr7:7398243-7575460	0	0	0	1
XLOC_020935	THSD7A	chr7:11410061-11871824	0	0	0	1
XLOC_020936	VWDE	chr7:12370508-12443852	0	0	0	1
XLOC_020939	AGMO	chr7:15239942-15601640	0	0	0	1

XLOC_020944	AGR2	chr7:16832263-16844738	0	0	0	1
XLOC_020945	AGR3	chr7:16899029-16921613	0	0	0	1
XLOC_020947	PRPS1L1	chr7:18066399-18067486	0	0	0	1
XLOC_020948	TWIST1	chr7:19155090-19157295	0	0	0	1
XLOC_020949	FERD3L	chr7:19184404-19185044	0	0	0	1
XLOC_020951	MIR3146	chr7:19735084-19748660	0	0	0	1
XLOC_020952	TMEM196	chr7:19758937-19812404	0	0	0	1
XLOC_020963	CLK2P	chr7:23624334-23626146	0	0	0	1
XLOC_020968	NPVF	chr7:25264190-25268105	0	0	0	1
XLOC_020969	RNU6-16	chr7:25880600-25880630	0	0	0	1
XLOC_020970	MIR148A	chr7:25989538-25989606	0	0	0	1
XLOC_020982	MIR196B	chr7:27202056-27219880	0	0	0	1
XLOC_020987	TRIL	chr7:28992973-28998029	0	0	0	1
XLOC_020990	MIR550A3	chr7:29685537-29727859	0	0	0	1
XLOC_020997	NEUROD6	chr7:31377074-31380538	0	0	0	1
XLOC_020998	PDE1C	chr7:31792631-32338383	0	0	0	1
XLOC_021002	MIR550B2	chr7:32772592-32772689	0	0	0	1
XLOC_021007	NPSR1-AS1	chr7:34386123-34917944	0	0	0	1
XLOC_021010	TBX20	chr7:35242041-35293711	0	0	0	1
XLOC_021013	AOAH	chr7:36552548-36764154	0	0	0	1
XLOC_021014	AOAH-IT1	chr7:36552548-36764154	0	0	0	1
XLOC_021016	MIR1200	chr7:36892510-37488895	0	0	0	1
XLOC_021017	SFRP4	chr7:37945534-37956525	0	0	0	1
XLOC_021018	TARP	chr7:38299243-38313248	0	0	0	1
XLOC_021019	AMPH	chr7:38423296-38671167	0	0	0	1
XLOC_021022	POU6F2-AS1	chr7:39017608-39504390	0	0	0	1
XLOC_021024	INHBA	chr7:41728600-41818976	0	0	0	1
XLOC_021025	GLI3	chr7:42000547-42276618	0	0	0	1
XLOC_021036	MYL7	chr7:44178462-44180916	0	0	0	1
XLOC_021037	GCK	chr7:44183869-44229022	0	0	0	1
XLOC_021054	IGFBP3	chr7:45951843-45960871	0	0	0	1
XLOC_021059	ZPBP	chr7:49977023-50132860	0	0	0	1
XLOC_021064	FLJ45974	chr7:53723201-53879624	0	0	0	1
XLOC_021065	HPVC1	chr7:54268916-54270114	0	0	0	1
XLOC_021074	NUPR1L	chr7:56182373-56184090	0	0	0	1
XLOC_021075	LOC650226	chr7:56491396-56516068	0	0	0	1
XLOC_021076	LOC100130849	chr7:56943077-56949839	0	0	0	1
XLOC_021077	MIR4283-2	chr7:57023491-57023571	0	0	0	1
XLOC_021079	GUSBP10	chr7:57233376-57247863	0	0	0	1
XLOC_021081	LOC100287834	chr7:62856717-62859419	0	0	0	1
XLOC_021082	LOC100506050	chr7:63484795-63490480	0	0	0	1
XLOC_021091	MIR4650-1	chr7:66461791-66704507	0	0	0	1
XLOC_021093	MIR3914-1	chr7:70597522-71178586	0	0	0	1
XLOC_021094	CALN1	chr7:71244475-71877360	0	0	0	1
XLOC_021100	GTF2IRD2P1	chr7:72656901-72685658	0	0	0	1
XLOC_021118	GATSL2	chr7:74807604-74867341	0	0	0	1
XLOC_021119	PMS2L2	chr7:74964559-74988306	0	0	0	1
XLOC_021123	CCL26	chr7:75398841-75419064	0	0	0	1
XLOC_021124	CCL24	chr7:75441113-75443033	0	0	0	1
XLOC_021131	FGL2	chr7:76751933-76924521	0	0	0	1
XLOC_021136	MIR548AU	chr7:77646373-79100524	0	0	0	1
XLOC_021137	GNAT3	chr7:80087986-80141242	0	0	0	1
XLOC_021148	ABCB4	chr7:87031360-87105019	0	0	0	1
XLOC_021149	ABCB1	chr7:87133178-87461613	0	0	0	1
XLOC_021152	STEAP4	chr7:87905743-87936228	0	0	0	1
XLOC_021153	C7orf62	chr7:88388752-88966346	0	0	0	1
XLOC_021154	MTERF	chr7:91502020-91510016	0	0	0	1
XLOC_021164	CALCR	chr7:93053798-93204042	0	0	0	1
XLOC_021165	MIR653	chr7:93053798-93204042	0	0	0	1
XLOC_021166	MIR489	chr7:93053798-93204042	0	0	0	1
XLOC_021167	TFPI2	chr7:93514708-93520303	0	0	0	1
XLOC_021175	MIR591	chr7:95749531-95951459	0	0	0	1
XLOC_021176	C7orf76	chr7:96110937-96132835	0	0	0	1
XLOC_021179	DLX6-AS1	chr7:96597826-96643377	0	0	0	1
XLOC_021180	DLX5	chr7:96649701-96654143	0	0	0	1
XLOC_021183	OCM2	chr7:97614012-97619416	0	0	0	1
XLOC_021195	CYP3A4	chr7:99354582-99381811	0	0	0	1
XLOC_021202	MIR25	chr7:99690403-99723128	0	0	0	1
XLOC_021203	MIR93	chr7:99690403-99723128	0	0	0	1
XLOC_021204	MIR106B	chr7:99690403-99723128	0	0	0	1
XLOC_021217	PCOLCE-AS1	chr7:100183955-100205798	0	0	0	1
XLOC_021231	MYL10	chr7:101256604-101272576	0	0	0	1
XLOC_021243	SLC26A5	chr7:102987970-103086624	0	0	0	1
XLOC_021244	RELN	chr7:103112230-103629965	0	0	0	1
XLOC_021246	LHFPL3-AS1	chr7:103969103-104567092	0	0	0	1
XLOC_021247	LHFPL3-AS2	chr7:103969103-104567092	0	0	0	1
XLOC_021261	LAMB4	chr7:107663995-107770801	0	0	0	1
XLOC_021262	NRCAM	chr7:107788070-108096841	0	0	0	1
XLOC_021265	C7orf66	chr7:108524037-108524637	0	0	0	1

XLOC_021266	EIF3IP1	chr7:109599283-109600270	0	0	0	1
XLOC_021273	PPP1R3A	chr7:113516881-113559082	0	0	0	1
XLOC_021274	TFEC	chr7:115575201-115670867	0	0	0	1
XLOC_021277	WNT2	chr7:116916685-116963343	0	0	0	1
XLOC_021287	TAS2R16	chr7:122634758-122635754	0	0	0	1
XLOC_021292	TMEM229A	chr7:123670969-123673523	0	0	0	1
XLOC_021293	GPR37	chr7:124385654-124406079	0	0	0	1
XLOC_021294	LOC154872	chr7:124417345-124430864	0	0	0	1
XLOC_021297	MIR592	chr7:126078651-126892428	0	0	0	1
XLOC_021300	PAX4	chr7:127250345-127255780	0	0	0	1
XLOC_021309	MIR182	chr7:129410222-129410333	0	0	0	1
XLOC_021310	MIR96	chr7:129414532-129414609	0	0	0	1
XLOC_021311	MIR183	chr7:129414744-129414854	0	0	0	1
XLOC_021318	KLF14	chr7:130417395-130418888	0	0	0	1
XLOC_021319	MIR29A	chr7:130561505-130561569	0	0	0	1
XLOC_021320	MIR29B1	chr7:130562217-130562296	0	0	0	1
XLOC_021324	PLXNA4	chr7:131808090-132333447	0	0	0	1
XLOC_021334	LOC349160	chr7:136553398-136849088	0	0	0	1
XLOC_021338	SVOPL	chr7:138279029-138363790	0	0	0	1
XLOC_021344	KLRG2	chr7:139138087-139168457	0	0	0	1
XLOC_021357	CLEC5A	chr7:141627156-141646783	0	0	0	1
XLOC_021358	TAS2R38	chr7:141672430-141673573	0	0	0	1
XLOC_021359	MOXD2P	chr7:141940555-141946888	0	0	0	1
XLOC_021360	PRSS58	chr7:141951957-141957879	0	0	0	1
XLOC_021361	LOC730441	chr7:141968100-141972068	0	0	0	1
XLOC_021363	TRPV5	chr7:142605647-142630820	0	0	0	1
XLOC_021365	OR9A2	chr7:142723286-142724219	0	0	0	1
XLOC_021373	RNU6-57	chr7:143906939-143906966	0	0	0	1
XLOC_021378	NOBOX	chr7:144094332-144107320	0	0	0	1
XLOC_021380	MIR54814	chr7:145813452-148118088	0	0	0	1
XLOC_021381	MIR548F4	chr7:145813452-148118088	0	0	0	1
XLOC_021392	RARRES2	chr7:150035406-150038763	0	0	0	1
XLOC_021400	GBX1	chr7:150845675-150864867	0	0	0	1
XLOC_021401	ASB10	chr7:150872784-150884919	0	0	0	1
XLOC_021406	MIR3907	chr7:151127055-151137099	0	0	0	1
XLOC_021412	LOC100128264	chr7:154858778-154879102	0	0	0	1
XLOC_021414	SHH	chr7:155595557-155604967	0	0	0	1
XLOC_021415	LOC285889	chr7:156230482-156238282	0	0	0	1
XLOC_021420	MIR153-2	chr7:157331749-158380482	0	0	0	1
XLOC_021421	MIR595	chr7:157331749-158380482	0	0	0	1
XLOC_021429	DLGAP2	chr8:1449568-1656642	0	0	0	1
XLOC_021431	MIR596	chr8:1765396-1765473	0	0	0	1
XLOC_021437	MIR4659A	chr8:6565877-6619021	0	0	0	1
XLOC_021438	LOC100652791	chr8:6666040-6699975	0	0	0	1
XLOC_021439	DEFB109P1B	chr8:7159132-7212876	0	0	0	1
XLOC_021440	USP17L1P	chr8:7159132-7212876	0	0	0	1
XLOC_021441	USP17L4	chr8:7159132-7212876	0	0	0	1
XLOC_021442	DEFB105B	chr8:7345242-7347073	0	0	0	1
XLOC_021443	DEFB107A	chr8:7353367-7366833	0	0	0	1
XLOC_021445	DEFB106B	chr8:7682693-7686575	0	0	0	1
XLOC_021446	DEFB104B	chr8:7693992-7698764	0	0	0	1
XLOC_021447	SPAG11A,SPAG11B	chr8:7705401-7721319	0	0	0	1
XLOC_021448	DEFB103A,DEFB103B	chr8:7738725-7740180	0	0	0	1
XLOC_021449	DEFB4A	chr8:7752198-7754237	0	0	0	1
XLOC_021450	ZNF705B	chr8:7783858-7809935	0	0	0	1
XLOC_021451	FAM66E	chr8:7812534-7866277	0	0	0	1
XLOC_021455	MIR4660	chr8:8905954-8906028	0	0	0	1
XLOC_021456	LOC157273	chr8:9182560-9192590	0	0	0	1
XLOC_021458	MIR597	chr8:9413444-9639856	0	0	0	1
XLOC_021460	PRSS55	chr8:10383055-10411676	0	0	0	1
XLOC_021461	C8orf74	chr8:10530146-10558103	0	0	0	1
XLOC_021465	BLK	chr8:11351520-11422108	0	0	0	1
XLOC_021466	LINC00208	chr8:11434043-11438850	0	0	0	1
XLOC_021471	ZNF705D	chr8:11946846-11973025	0	0	0	1
XLOC_021473	FAM66A	chr8:12219527-12268510	0	0	0	1
XLOC_021475	MIR3926-2	chr8:12579405-12612992	0	0	0	1
XLOC_021478	TUSC3	chr8:15397595-15624158	0	0	0	1
XLOC_021479	EFHA2	chr8:16884746-16980148	0	0	0	1
XLOC_021489	LPL	chr8:19796581-19824770	0	0	0	1
XLOC_021491	LZTS1-AS1	chr8:20133283-20147969	0	0	0	1
XLOC_021492	LOC286114	chr8:20831496-20852630	0	0	0	1
XLOC_021498	SFTPC	chr8:22019183-22021991	0	0	0	1
XLOC_021517	ADAMDEC1	chr8:24241797-24263526	0	0	0	1
XLOC_021518	ADAM7	chr8:24298508-24367077	0	0	0	1
XLOC_021519	NEFM	chr8:24771273-24776606	0	0	0	1
XLOC_021528	MIR3622A	chr8:27559189-27559284	0	0	0	1
XLOC_021531	PNOC	chr8:28174648-28200868	0	0	0	1
XLOC_021535	LOC286135	chr8:29779028-29811123	0	0	0	1
XLOC_021542	NRG1	chr8:31497267-32622558	0	0	0	1

XLOC_021543	NRG1-IT3	chr8:31497267-32622558	0	0	0	1
XLOC_021546	KCNU1	chr8:36641841-36793643	0	0	0	1
XLOC_021561	ADAM5	chr8:39172181-39260375	0	0	0	1
XLOC_021562	LOC100130964	chr8:39420630-39437653	0	0	0	1
XLOC_021563	ADAM18	chr8:39442086-39587583	0	0	0	1
XLOC_021565	IDO2	chr8:39792473-39873910	0	0	0	1
XLOC_021566	C8orf4	chr8:40010986-40012827	0	0	0	1
XLOC_021575	CHRN3	chr8:42552561-42592209	0	0	0	1
XLOC_021580	POTEA	chr8:43147584-43218328	0	0	0	1
XLOC_021581	LINC00293	chr8:47752507-47767407	0	0	0	1
XLOC_021586	C8orf22	chr8:49966894-49988642	0	0	0	1
XLOC_021587	SNTG1	chr8:50824596-51705427	0	0	0	1
XLOC_021588	NPBWR1	chr8:53852467-53853454	0	0	0	1
XLOC_021591	SOX17	chr8:55370494-55373456	0	0	0	1
XLOC_021592	RP1	chr8:55528626-55543394	0	0	0	1
XLOC_021593	XKR4	chr8:56015016-56438710	0	0	0	1
XLOC_021597	LOC100507651	chr8:58131647-58145388	0	0	0	1
XLOC_021598	LOC286177	chr8:58173784-58179170	0	0	0	1
XLOC_021599	LINC00588	chr8:58192101-58197290	0	0	0	1
XLOC_021606	MIR4470	chr8:62627346-62627418	0	0	0	1
XLOC_021607	NKAIN3	chr8:63161500-63903628	0	0	0	1
XLOC_021608	UG0898H09	chr8:63161500-63903628	0	0	0	1
XLOC_021610	LOC286184	chr8:64681987-64698054	0	0	0	1
XLOC_021611	LOC100130155	chr8:65285774-65291386	0	0	0	1
XLOC_021612	MIR124-2	chr8:65291705-65291814	0	0	0	1
XLOC_021613	BHLHE22	chr8:65492794-65496191	0	0	0	1
XLOC_021617	LOC100505659	chr8:67104348-67109554	0	0	0	1
XLOC_021624	PREX2	chr8:68864602-69143897	0	0	0	1
XLOC_021625	C8orf34	chr8:69215702-69731258	0	0	0	1
XLOC_021629	LOC100132891	chr8:72753776-72987819	0	0	0	1
XLOC_021630	RNU6-83	chr8:72753776-72987819	0	0	0	1
XLOC_021631	KCNB2	chr8:73449625-73850584	0	0	0	1
XLOC_021638	MIR5681A	chr8:75460777-75460852	0	0	0	1
XLOC_021639	FLJ39080	chr8:75512100-75670587	0	0	0	1
XLOC_021640	MIR2052	chr8:75512100-75670587	0	0	0	1
XLOC_021641	PI15	chr8:75736771-75767264	0	0	0	1
XLOC_021642	CRISPLD1	chr8:75896707-75946793	0	0	0	1
XLOC_021645	PKIA	chr8:79428335-79517502	0	0	0	1
XLOC_021647	STMN2	chr8:80523048-80578410	0	0	0	1
XLOC_021648	MIR5708	chr8:81153623-81153708	0	0	0	1
XLOC_021649	ZBTB10	chr8:81398447-81434610	0	0	0	1
XLOC_021652	RALYL	chr8:85095452-85834078	0	0	0	1
XLOC_021658	REXO1L2P	chr8:86727072-86728150	0	0	0	1
XLOC_021659	REXO1L2P	chr8:86748526-86749604	0	0	0	1
XLOC_021660	ATP6V0D2	chr8:87111138-87166454	0	0	0	1
XLOC_021663	CNBD1	chr8:87878675-88394955	0	0	0	1
XLOC_021671	MIR4661	chr8:92114846-92231464	0	0	0	1
XLOC_021681	MIR3150A	chr8:96085138-96085224	0	0	0	1
XLOC_021685	SDC2	chr8:97505881-97624037	0	0	0	1
XLOC_021692	KCNS2	chr8:99439249-99443023	0	0	0	1
XLOC_021697	MIR4471	chr8:101394990-101395071	0	0	0	1
XLOC_021698	FLJ42969	chr8:102064281-102088471	0	0	0	1
XLOC_021701	MIR5680	chr8:103137659-103137741	0	0	0	1
XLOC_021702	ODF1	chr8:103563847-103573241	0	0	0	1
XLOC_021705	MIR3151	chr8:104145190-104242531	0	0	0	1
XLOC_021710	DCSTAMP	chr8:105352023-105368917	0	0	0	1
XLOC_021714	TRHR	chr8:110099652-110131811	0	0	0	1
XLOC_021716	PKHD1L1	chr8:110374705-110543501	0	0	0	1
XLOC_021718	MIR2053	chr8:113235158-114449241	0	0	0	1
XLOC_021721	AARD	chr8:117950463-117956231	0	0	0	1
XLOC_021722	SLC30A8	chr8:117962511-118188951	0	0	0	1
XLOC_021726	MAL2	chr8:120220609-120257911	0	0	0	1
XLOC_021737	FER1L6	chr8:124864226-125132301	0	0	0	1
XLOC_021741	LOC157381	chr8:125954249-125963331	0	0	0	1
XLOC_021749	MIR1204	chr8:128808207-128808271	0	0	0	1
XLOC_021751	MIR1205	chr8:128902873-129113491	0	0	0	1
XLOC_021752	MIR1206	chr8:128902873-129113491	0	0	0	1
XLOC_021753	MIR1207	chr8:128902873-129113491	0	0	0	1
XLOC_021754	MIR1208	chr8:129162361-129162431	0	0	0	1
XLOC_021758	WISP1	chr8:134203281-134243931	0	0	0	1
XLOC_021760	LOC286094	chr8:136246373-136311961	0	0	0	1
XLOC_021761	KHDRBS3	chr8:136469715-136659841	0	0	0	1
XLOC_021764	LOC731779	chr8:142350647-142354721	0	0	0	1
XLOC_021766	MIR4472-1	chr8:143257699-143257771	0	0	0	1
XLOC_021772	GML	chr8:143916216-143928261	0	0	0	1
XLOC_021796	SCXB	chr8:145321516-145323041	0	0	0	1
XLOC_021798	SCXA	chr8:145486055-145515121	0	0	0	1
XLOC_021812	OR4F21	chr8:116085-117024	0	0	0	1
XLOC_021816	LOC286083	chr8:1244293-1250827	0	0	0	1

XLOC_021817	CSMD1	chr8:2792874-4852328	0	0	0	1
XLOC_021820	MIR4659B	chr8:6565877-6619021	0	0	0	1
XLOC_021821	XKR5	chr8:6666040-6699975	0	0	0	1
XLOC_021822	DEFB1	chr8:6728096-6735529	0	0	0	1
XLOC_021823	DEFA6	chr8:6782215-6783598	0	0	0	1
XLOC_021824	DEFA4	chr8:6793344-6795786	0	0	0	1
XLOC_021825	DEFA8P	chr8:6808247-6809121	0	0	0	1
XLOC_021826	DEFA9P	chr8:6816810-6817683	0	0	0	1
XLOC_021827	DEFA10P	chr8:6825662-6826635	0	0	0	1
XLOC_021828	DEFA1B	chr8:6835170-6837614	0	0	0	1
XLOC_021829	DEFT1P2	chr8:6844699-6847243	0	0	0	1
XLOC_021830	DEFA1	chr8:6854287-6856724	0	0	0	1
XLOC_021831	DEFT1P2	chr8:6863802-6866346	0	0	0	1
XLOC_021832	DEFA1	chr8:6873390-6875823	0	0	0	1
XLOC_021833	DEFA11P	chr8:6886122-6887011	0	0	0	1
XLOC_021835	LOC349196	chr8:7118140-7121014	0	0	0	1
XLOC_021836	LOC349196	chr8:7125762-7128636	0	0	0	1
XLOC_021837	LOC349196	chr8:7141006-7143880	0	0	0	1
XLOC_021838	FAM66B	chr8:7159132-7212876	0	0	0	1
XLOC_021839	ZNF705G	chr8:7215497-7220490	0	0	0	1
XLOC_021840	DEFB4B	chr8:7272384-7274354	0	0	0	1
XLOC_021841	DEFB103A,DEFB103B	chr8:7286415-7287870	0	0	0	1
XLOC_021842	SPAG11B	chr8:7305275-7321192	0	0	0	1
XLOC_021843	DEFB104A	chr8:7327829-7332604	0	0	0	1
XLOC_021844	DEFB106B	chr8:7340025-7343909	0	0	0	1
XLOC_021845	FAM90A7P	chr8:7413659-7416626	0	0	0	1
XLOC_021846	FAM90A7P	chr8:7421309-7431920	0	0	0	1
XLOC_021847	DEFB107B	chr8:7669241-7673238	0	0	0	1
XLOC_021848	DEFB105A	chr8:7679529-7681360	0	0	0	1
XLOC_021849	USP17L8	chr8:7812534-7866277	0	0	0	1
XLOC_021850	USP17L3	chr8:7812534-7866277	0	0	0	1
XLOC_021851	DEFB109P1B	chr8:7812534-7866277	0	0	0	1
XLOC_021852	MIR548I3	chr8:7946462-7946611	0	0	0	1
XLOC_021856	LINC00599	chr8:9757573-9760839	0	0	0	1
XLOC_021857	MIR124-1	chr8:9760897-9760982	0	0	0	1
XLOC_021861	MIR1322	chr8:10622883-10697299	0	0	0	1
XLOC_021863	MIR598	chr8:10753656-11058875	0	0	0	1
XLOC_021868	LOC100133267	chr8:11921897-11929256	0	0	0	1
XLOC_021869	LOC392196	chr8:11973290-12008698	0	0	0	1
XLOC_021870	USP17L7	chr8:11973290-12008698	0	0	0	1
XLOC_021871	USP17L2	chr8:11973290-12008698	0	0	0	1
XLOC_021874	DEFB130	chr8:12168470-12175825	0	0	0	1
XLOC_021875	LOC649352	chr8:12219527-12268510	0	0	0	1
XLOC_021876	DEFB109P1	chr8:12219527-12268510	0	0	0	1
XLOC_021881	MIR3926-1	chr8:12579405-12612992	0	0	0	1
XLOC_021882	LOC340357	chr8:12623570-12668910	0	0	0	1
XLOC_021885	MIR383	chr8:13947372-15095792	0	0	0	1
XLOC_021887	FGF20	chr8:16850333-16859674	0	0	0	1
XLOC_021891	FGL1	chr8:17721899-17753047	0	0	0	1
XLOC_021894	LOC100128993	chr8:19041185-19103032	0	0	0	1
XLOC_021896	SLC18A1	chr8:20002365-20040717	0	0	0	1
XLOC_021898	GFRA2	chr8:21549529-21646346	0	0	0	1
XLOC_021909	PEBP4	chr8:22570764-22785421	0	0	0	1
XLOC_021916	NKX2-6	chr8:23559963-23564111	0	0	0	1
XLOC_021918	NEFL	chr8:24808468-24814383	0	0	0	1
XLOC_021921	EBF2	chr8:25699245-25902640	0	0	0	1
XLOC_021928	MIR3622B	chr8:27559189-27559284	0	0	0	1
XLOC_021932	MIR4287	chr8:27727398-27850369	0	0	0	1
XLOC_021933	NUGGC	chr8:27879480-27941388	0	0	0	1
XLOC_021936	MIR4288	chr8:28351721-28431785	0	0	0	1
XLOC_021940	LINC00589	chr8:29578775-29605625	0	0	0	1
XLOC_021941	MIR3148	chr8:29814787-29814864	0	0	0	1
XLOC_021942	MIR548O2	chr8:29920257-30108213	0	0	0	1
XLOC_021949	TEX15	chr8:30689059-30706533	0	0	0	1
XLOC_021954	DUSP26	chr8:33448853-33457439	0	0	0	1
XLOC_021958	GOT1L1	chr8:37791799-37797647	0	0	0	1
XLOC_021959	ADRB3	chr8:37820513-37824184	0	0	0	1
XLOC_021968	ADAM3A	chr8:39308563-39380508	0	0	0	1
XLOC_021969	ADAM2	chr8:39601254-39695779	0	0	0	1
XLOC_021970	ZMAT4	chr8:40388110-40755343	0	0	0	1
XLOC_021972	NKX6-3	chr8:41503828-41504878	0	0	0	1
XLOC_021974	MIR486	chr8:41510743-41754280	0	0	0	1
XLOC_021979	CHRNA6	chr8:42607779-42623929	0	0	0	1
XLOC_021984	EFCAB1	chr8:49627473-49647870	0	0	0	1
XLOC_021989	FAM150A	chr8:53446596-53478021	0	0	0	1
XLOC_021995	SBF1P1	chr8:56015016-56438710	0	0	0	1
XLOC_021998	SNORD54	chr8:56980738-56987140	0	0	0	1
XLOC_021999	MOS	chr8:57025500-57026541	0	0	0	1
XLOC_022001	SDR16C5	chr8:57212569-57233241	0	0	0	1

XLOC_022002	PENK	chr8:57353512-57359282	0	0	0	1
XLOC_022003	LOC100507632	chr8:57430877-57472382	0	0	0	1
XLOC_022005	CYP7A1	chr8:59402736-59412720	0	0	0	1
XLOC_022007	TOX	chr8:59717976-60031767	0	0	0	1
XLOC_022008	CA8	chr8:61101422-61193954	0	0	0	1
XLOC_022009	LOC100130298	chr8:61878679-61880307	0	0	0	1
XLOC_022013	LOC401463	chr8:65486865-65489820	0	0	0	1
XLOC_022014	CYP7B1	chr8:65508528-65711348	0	0	0	1
XLOC_022015	LINC00251	chr8:66073379-66092575	0	0	0	1
XLOC_022016	LOC286186	chr8:66439242-66474901	0	0	0	1
XLOC_022019	CRH	chr8:67088611-67090846	0	0	0	1
XLOC_022023	PTTG3P	chr8:67579786-67774257	0	0	0	1
XLOC_022025	SNORD87	chr8:67782983-67837777	0	0	0	1
XLOC_022026	TCF24	chr8:67858735-67874825	0	0	0	1
XLOC_022027	PPP1R42	chr8:67900366-67940786	0	0	0	1
XLOC_022030	CPA6	chr8:68334404-68658620	0	0	0	1
XLOC_022031	LOC286189	chr8:69215702-69731258	0	0	0	1
XLOC_022034	PRDM14	chr8:70963885-70983562	0	0	0	1
XLOC_022038	EYA1	chr8:72109667-72274467	0	0	0	1
XLOC_022039	MSC	chr8:72753776-72987819	0	0	0	1
XLOC_022040	TRPA1	chr8:72753776-72987819	0	0	0	1
XLOC_022041	LOC392232	chr8:73117533-73163869	0	0	0	1
XLOC_022049	MIR5681B	chr8:75460777-75460852	0	0	0	1
XLOC_022050	ZFX4-AS1	chr8:77523113-77779521	0	0	0	1
XLOC_022058	PMP2	chr8:82352563-82359719	0	0	0	1
XLOC_022059	FABP9	chr8:82370617-82373758	0	0	0	1
XLOC_022060	FABP4	chr8:82390731-82395473	0	0	0	1
XLOC_022061	FABP12	chr8:82437280-82443550	0	0	0	1
XLOC_022067	CA1	chr8:86240457-86290342	0	0	0	1
XLOC_022068	REXO1L2P	chr8:86566827-86567905	0	0	0	1
XLOC_022069	REXO1L1	chr8:86568694-86575726	0	0	0	1
XLOC_022070	REXO1L2P	chr8:86756683-86757761	0	0	0	1
XLOC_022071	REXO1L1	chr8:86758550-86789306	0	0	0	1
XLOC_022072	REXO1L2P	chr8:86758550-86789306	0	0	0	1
XLOC_022073	REXO1L2P	chr8:86802519-86803597	0	0	0	1
XLOC_022074	REXO1L2P	chr8:86814712-86815790	0	0	0	1
XLOC_022075	REXO1L2P	chr8:86839093-86840171	0	0	0	1
XLOC_022076	PSKH2	chr8:87060690-87081851	0	0	0	1
XLOC_022077	SLC7A13	chr8:87226287-87242604	0	0	0	1
XLOC_022079	CNGB3	chr8:87586162-87755903	0	0	0	1
XLOC_022081	MMP16	chr8:89049459-89339717	0	0	0	1
XLOC_022083	CALB1	chr8:91070837-91095107	0	0	0	1
XLOC_022088	FLJ46284	chr8:93725189-93798288	0	0	0	1
XLOC_022090	C8orf87	chr8:94146323-94179079	0	0	0	1
XLOC_022093	MIR378D2	chr8:94928249-94928347	0	0	0	1
XLOC_022094	CDH17	chr8:95139393-95229531	0	0	0	1
XLOC_022098	LOC100288748	chr8:95649512-95651695	0	0	0	1
XLOC_022101	MIR3150B	chr8:96085138-96085224	0	0	0	1
XLOC_022102	C8orf69	chr8:96219234-96228602	0	0	0	1
XLOC_022104	LOC100500773	chr8:96959212-96960576	0	0	0	1
XLOC_022108	TSPYL5	chr8:98285713-98290176	0	0	0	1
XLOC_022114	MIR599	chr8:100025493-100889814	0	0	0	1
XLOC_022115	MIR875	chr8:100025493-100889814	0	0	0	1
XLOC_022117	RGS22	chr8:100973275-101118344	0	0	0	1
XLOC_022125	NCALD	chr8:102698769-103137131	0	0	0	1
XLOC_022133	DPYS	chr8:105391651-105479277	0	0	0	1
XLOC_022136	ANGPT1	chr8:108261709-108510254	0	0	0	1
XLOC_022137	RSPO2	chr8:108911543-109095913	0	0	0	1
XLOC_022142	KCNV1	chr8:110979232-110986951	0	0	0	1
XLOC_022143	CSMD3	chr8:113235158-114449242	0	0	0	1
XLOC_022145	LINC00536	chr8:116962735-117337297	0	0	0	1
XLOC_022150	TNFRSF11B	chr8:119935795-119964381	0	0	0	1
XLOC_022159	MIR4663	chr8:124228027-124228101	0	0	0	1
XLOC_022164	ANXA13	chr8:124693033-124749647	0	0	0	1
XLOC_022165	FER1L6-AS1	chr8:124864226-125132301	0	0	0	1
XLOC_022172	LOC727677	chr8:128455594-128494384	0	0	0	1
XLOC_022173	LOC728724	chr8:130228712-130253481	0	0	0	1
XLOC_022174	GSDMC	chr8:130760441-130799134	0	0	0	1
XLOC_022176	MIR5194	chr8:130851838-131028897	0	0	0	1
XLOC_022180	ADCY8	chr8:131792546-132052831	0	0	0	1
XLOC_022181	OC90	chr8:133036466-133071627	0	0	0	1
XLOC_022182	HHLA1	chr8:133073732-133117512	0	0	0	1
XLOC_022187	SLA	chr8:133879204-134147141	0	0	0	1
XLOC_022191	MIR30B	chr8:135812762-135812851	0	0	0	1
XLOC_022192	MIR30D	chr8:135817118-135817181	0	0	0	1
XLOC_022193	FAM135B	chr8:139142265-139509061	0	0	0	1
XLOC_022194	COL22A1	chr8:139600477-139926231	0	0	0	1
XLOC_022200	GPR20	chr8:142366586-142377361	0	0	0	1
XLOC_022201	MROH5	chr8:142443928-142517331	0	0	0	1

XLOC_022206	SLURP1	chr8:143822361-14382382	0	0	0	1
XLOC_022207	LYPD2	chr8:143831627-14383395	0	0	0	1
XLOC_022209	LY6D	chr8:143866297-14386800	0	0	0	1
XLOC_022210	CYP11B1	chr8:143953772-14396123	0	0	0	1
XLOC_022211	CYP11B2	chr8:143991974-14399925	0	0	0	1
XLOC_022213	LY6H	chr8:144239330-14424205	0	0	0	1
XLOC_022223	CCDC166	chr8:144788863-14479027	0	0	0	1
XLOC_022225	MIR4664	chr8:144806102-14481591	0	0	0	1
XLOC_022231	MIR661	chr8:144989320-14505091	0	0	0	1
XLOC_022241	MIR1234	chr8:145597730-14563473	0	0	0	1
XLOC_022257	DDX11L5	chr9:11986-29739	0	0	0	1
XLOC_022261	DMRT3	chr9:976967-991732	0	0	0	1
XLOC_022266	GLIS3-AS1	chr9:3824127-4300035	0	0	0	1
XLOC_022271	MIR101-2	chr9:4792833-4861064	0	0	0	1
XLOC_022273	INSL4	chr9:5231418-5233967	0	0	0	1
XLOC_022275	PDCD1LG2	chr9:5510544-5571282	0	0	0	1
XLOC_022278	MIR4665	chr9:5919007-6008003	0	0	0	1
XLOC_022279	IL33	chr9:6215785-6257983	0	0	0	1
XLOC_022280	TPD52L3	chr9:6328348-6331900	0	0	0	1
XLOC_022285	LINC00583	chr9:13927969-13945606	0	0	0	1
XLOC_022286	LOC389705	chr9:14993324-15019722	0	0	0	1
XLOC_022292	MIR3152	chr9:18474078-18910947	0	0	0	1
XLOC_022297	MIR491	chr9:20658308-20995954	0	0	0	1
XLOC_022299	IFNA1	chr9:21440452-21441315	0	0	0	1
XLOC_022301	C9orf53	chr9:21967137-21994490	0	0	0	1
XLOC_022303	DMRTA1	chr9:22446839-22452472	0	0	0	1
XLOC_022304	FLJ35282	chr9:22646198-22824212	0	0	0	1
XLOC_022308	IFNK	chr9:27325206-27529850	0	0	0	1
XLOC_022311	TMEM215	chr9:32783496-32789199	0	0	0	1
XLOC_022313	SPINK4	chr9:33240195-33248565	0	0	0	1
XLOC_022320	SNORD121B	chr9:33921690-34048947	0	0	0	1
XLOC_022324	LOC415056	chr9:34551429-34590138	0	0	0	1
XLOC_022334	MIR4667	chr9:35605280-35618424	0	0	0	1
XLOC_022345	GLIPR2	chr9:36136741-36163903	0	0	0	1
XLOC_022346	CCIN	chr9:36169388-36171331	0	0	0	1
XLOC_022358	SPATA31A2	chr9:39355698-39361959	0	0	0	1
XLOC_022359	SPATA31A2	chr9:39884974-39891210	0	0	0	1
XLOC_022360	FAM74A1	chr9:39900199-39907240	0	0	0	1
XLOC_022361	SPATA31A3	chr9:40700290-40706537	0	0	0	1
XLOC_022362	FAM74A3	chr9:40715523-40722679	0	0	0	1
XLOC_022363	SPATA31A5	chr9:41500678-41506925	0	0	0	1
XLOC_022364	LOC643648	chr9:41958801-42019584	0	0	0	1
XLOC_022366	FAM95B1	chr9:42468588-42474238	0	0	0	1
XLOC_022367	FOXD4L4	chr9:42717233-42720342	0	0	0	1
XLOC_022369	CNTNAP3B	chr9:43684884-43922473	0	0	0	1
XLOC_022370	LOC643648	chr9:44387386-44391416	0	0	0	1
XLOC_022374	LOC643648	chr9:46829289-46833319	0	0	0	1
XLOC_022378	ANKRD20A4	chr9:69381980-69425109	0	0	0	1
XLOC_022388	C9orf135	chr9:72435730-72521148	0	0	0	1
XLOC_022393	TMC1	chr9:75136716-75451267	0	0	0	1
XLOC_022395	RORB	chr9:77112251-77302117	0	0	0	1
XLOC_022400	PCA3	chr9:79226291-79521003	0	0	0	1
XLOC_022401	FOXB2	chr9:79634570-79635869	0	0	0	1
XLOC_022406	SPATA31D5P	chr9:84528351-84534842	0	0	0	1
XLOC_022407	SPATA31D4	chr9:84543342-84549913	0	0	0	1
XLOC_022408	SPATA31D3	chr9:84558414-84565009	0	0	0	1
XLOC_022409	SPATA31D1	chr9:84603686-84610171	0	0	0	1
XLOC_022416	C9orf170	chr9:89763558-89774641	0	0	0	1
XLOC_022419	CTSL3P	chr9:90387829-90401799	0	0	0	1
XLOC_022420	CTSL1P8	chr9:90459659-90462339	0	0	0	1
XLOC_022421	SPATA31E1	chr9:90497771-90503814	0	0	0	1
XLOC_022422	SPATA31C1	chr9:90532876-90538572	0	0	0	1
XLOC_022427	MIR3153	chr9:91926112-91931618	0	0	0	1
XLOC_022430	UNQ6494	chr9:92254697-92334674	0	0	0	1
XLOC_022432	MIR3910-1	chr9:94398532-94398643	0	0	0	1
XLOC_022434	LINC00475	chr9:94903748-94921890	0	0	0	1
XLOC_022439	SUSD3	chr9:95820988-95847415	0	0	0	1
XLOC_022444	MIR4291	chr9:96581638-96581703	0	0	0	1
XLOC_022446	MIRLET7A1	chr9:96938238-96938318	0	0	0	1
XLOC_022447	MIRLET7F1	chr9:96938628-96938715	0	0	0	1
XLOC_022448	MIRLET7D	chr9:96938851-96966848	0	0	0	1
XLOC_022453	MIR2278	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022455	MIR27B	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022456	MIR24-1	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022461	LOC441455	chr9:99488102-99489749	0	0	0	1
XLOC_022469	FOXE1	chr9:100615536-100618997	0	0	0	1
XLOC_022473	COL15A1	chr9:101706137-10183306	0	0	0	1
XLOC_022481	LPPR1	chr9:103791030-104087417	0	0	0	1
XLOC_022484	CYLC2	chr9:105757592-10578077	0	0	0	1

XLOC_022486	OR13F1	chr9:107266543-107267503	0	0	0	1
XLOC_022487	OR13C8	chr9:107331448-107332411	0	0	0	1
XLOC_022488	OR13D1	chr9:107456702-107457743	0	0	0	1
XLOC_022502	MUSK	chr9:113431050-113563278	0	0	0	1
XLOC_022506	MIR4668	chr9:114659205-114695433	0	0	0	1
XLOC_022519	MIR455	chr9:116918230-117072978	0	0	0	1
XLOC_022524	DEC1	chr9:117904096-118164923	0	0	0	1
XLOC_022526	LOC100128505	chr9:119187503-120177317	0	0	0	1
XLOC_022528	TLR4	chr9:120466452-120479768	0	0	0	1
XLOC_022537	OR1J2	chr9:125273080-125274022	0	0	0	1
XLOC_022538	OR1J4	chr9:125281419-125282367	0	0	0	1
XLOC_022539	OR1N2	chr9:125315448-125316447	0	0	0	1
XLOC_022540	OR1Q1	chr9:125377016-125377967	0	0	0	1
XLOC_022541	OR1L1	chr9:125423994-125424927	0	0	0	1
XLOC_022542	OR1L3	chr9:125437408-125438383	0	0	0	1
XLOC_022543	OR1L4	chr9:125486268-125487204	0	0	0	1
XLOC_022545	OR5C1	chr9:125551211-125552174	0	0	0	1
XLOC_022546	OR1K1	chr9:125562401-125563352	0	0	0	1
XLOC_022548	GPR21	chr9:125703287-125867147	0	0	0	1
XLOC_022550	LHX2	chr9:126773888-126795444	0	0	0	1
XLOC_022553	GPR144	chr9:127213422-127239378	0	0	0	1
XLOC_022554	MIR181A2HG	chr9:127284702-127533578	0	0	0	1
XLOC_022555	MIR181A2	chr9:127284702-127533578	0	0	0	1
XLOC_022556	MIR181B2	chr9:127284702-127533578	0	0	0	1
XLOC_022575	MIR2861,MIR3960	chr9:130548111-130548288	0	0	0	1
XLOC_022587	MIR2964A	chr9:131154896-131154993	0	0	0	1
XLOC_022603	C9orf106	chr9:132083294-132084882	0	0	0	1
XLOC_022606	PRRX2	chr9:132427919-132484957	0	0	0	1
XLOC_022621	SNORD62A	chr9:134305476-134375578	0	0	0	1
XLOC_022622	SNORD62B	chr9:134305476-134375578	0	0	0	1
XLOC_022632	CELP	chr9:135957925-135962478	0	0	0	1
XLOC_022634	SNORD24	chr9:136215068-136218280	0	0	0	1
XLOC_022635	SNORD36B	chr9:136215068-136218280	0	0	0	1
XLOC_022637	SNORD36C	chr9:136215068-136218280	0	0	0	1
XLOC_022642	ADAMTSL2	chr9:136397285-136440647	0	0	0	1
XLOC_022643	DBH	chr9:136501484-136524466	0	0	0	1
XLOC_022647	MIR4669	chr9:137218315-137332437	0	0	0	1
XLOC_022649	FCN2	chr9:137772657-137779366	0	0	0	1
XLOC_022650	OLFM1	chr9:137967088-138013003	0	0	0	1
XLOC_022651	LOC401557	chr9:138073454-138079152	0	0	0	1
XLOC_022652	C9orf62	chr9:138235094-138238404	0	0	0	1
XLOC_022656	OBP2A	chr9:138437984-138441811	0	0	0	1
XLOC_022659	LCN9	chr9:138555167-138557758	0	0	0	1
XLOC_022665	MIR126	chr9:139553307-139567130	0	0	0	1
XLOC_022671	MIR4292	chr9:139690789-139735638	0	0	0	1
XLOC_022676	MIR4479	chr9:139780964-139821067	0	0	0	1
XLOC_022679	PTGDS	chr9:139871955-139876194	0	0	0	1
XLOC_022680	LCNL1	chr9:139877444-139880210	0	0	0	1
XLOC_022700	MIR602	chr9:140732870-140732968	0	0	0	1
XLOC_022703	FAM157B	chr9:141106636-141134172	0	0	0	1
XLOC_022705	FAM138C	chr9:34393-35864	0	0	0	1
XLOC_022715	INSL6	chr9:5163862-5185618	0	0	0	1
XLOC_022724	PTPRD	chr9:8314245-10612723	0	0	0	1
XLOC_022725	MPDZ	chr9:13105702-13279563	0	0	0	1
XLOC_022729	CER1	chr9:14719731-14722715	0	0	0	1
XLOC_022730	FREM1	chr9:14734663-14910993	0	0	0	1
XLOC_022742	MIR4473	chr9:20344967-20622514	0	0	0	1
XLOC_022743	MIR4474	chr9:20344967-20622514	0	0	0	1
XLOC_022745	IFNB1	chr9:21077103-21077943	0	0	0	1
XLOC_022746	IFNW1	chr9:21140630-21142144	0	0	0	1
XLOC_022747	IFNA21	chr9:21165635-21166659	0	0	0	1
XLOC_022748	IFNA4	chr9:21186617-21187598	0	0	0	1
XLOC_022749	IFNA7	chr9:21201467-21202204	0	0	0	1
XLOC_022750	IFNA10	chr9:21206179-21207142	0	0	0	1
XLOC_022751	IFNA16	chr9:21216371-21217310	0	0	0	1
XLOC_022753	IFNA14	chr9:21239200-21239978	0	0	0	1
XLOC_022754	IFNA22P	chr9:21277686-21278562	0	0	0	1
XLOC_022755	IFNA5	chr9:21304612-21305312	0	0	0	1
XLOC_022757	IFNA6	chr9:21350316-21350886	0	0	0	1
XLOC_022758	IFNA13	chr9:21367370-21368075	0	0	0	1
XLOC_022759	IFNA2	chr9:21384253-21385396	0	0	0	1
XLOC_022762	MIR31	chr9:21454266-21559697	0	0	0	1
XLOC_022765	ELAVL2	chr9:23690102-23826063	0	0	0	1
XLOC_022766	IZUMO3	chr9:24543212-24545674	0	0	0	1
XLOC_022775	LINGO2	chr9:27948083-29212998	0	0	0	1
XLOC_022776	MIR876	chr9:27948083-29212998	0	0	0	1
XLOC_022777	MIR873	chr9:27948083-29212998	0	0	0	1
XLOC_022778	LOC401497	chr9:30388932-30408452	0	0	0	1
XLOC_022782	TAF1L	chr9:32629451-32635667	0	0	0	1

XLOC_022787	AQP7	chr9:33384947-33402517	0	0	0	1
XLOC_022790	SUGT1P1	chr9:33504534-33511164	0	0	0	1
XLOC_022793	SNORD121A	chr9:33921690-34048947	0	0	0	1
XLOC_022805	CCL27	chr9:34652181-34662689	0	0	0	1
XLOC_022806	CCL19	chr9:34689566-34691274	0	0	0	1
XLOC_022807	CCL21	chr9:34709001-34710147	0	0	0	1
XLOC_022808	FAM205A	chr9:34723049-34729535	0	0	0	1
XLOC_022809	FAM205B	chr9:34830263-34838583	0	0	0	1
XLOC_022817	SIT1	chr9:35649296-35650947	0	0	0	1
XLOC_022826	FAM221B	chr9:35817013-35828744	0	0	0	1
XLOC_022828	OR2S2	chr9:35957104-35958151	0	0	0	1
XLOC_022831	MIR4475	chr9:36823535-36823596	0	0	0	1
XLOC_022832	PAX5	chr9:36838530-37034476	0	0	0	1
XLOC_022833	MIR4540	chr9:36838530-37034476	0	0	0	1
XLOC_022834	MIR4476	chr9:36838530-37034476	0	0	0	1
XLOC_022841	IGFBPL1	chr9:38406524-38424444	0	0	0	1
XLOC_022844	CNTNAP3	chr9:39072763-39288300	0	0	0	1
XLOC_022847	SPATA31A4	chr9:41321106-41327397	0	0	0	1
XLOC_022848	LOC653501,ZNF658B	chr9:41588832-41609544	0	0	0	1
XLOC_022852	FAM95B1	chr9:43027662-43033312	0	0	0	1
XLOC_022853	ANKRD20A2,ANKRD20A3	chr9:43089971-43133544	0	0	0	1
XLOC_022854	LOC642929	chr9:43140536-43145484	0	0	0	1
XLOC_022855	SPATA31A6	chr9:43624501-43630730	0	0	0	1
XLOC_022856	FAM74A2,FAM74A4	chr9:65487272-65494386	0	0	0	1
XLOC_022857	SPATA31A5	chr9:65503362-65509610	0	0	0	1
XLOC_022858	LOC286297	chr9:67017374-67032072	0	0	0	1
XLOC_022860	FAM27B	chr9:67792928-67794189	0	0	0	1
XLOC_022867	FOXD4L4	chr9:70426622-70429731	0	0	0	1
XLOC_022870	TMEM252	chr9:71151497-71155783	0	0	0	1
XLOC_022871	PRKACG	chr9:71627448-71629039	0	0	0	1
XLOC_022872	BANCR	chr9:71911596-71921972	0	0	0	1
XLOC_022873	APBA1	chr9:72042448-72287275	0	0	0	1
XLOC_022875	LOC494558	chr9:72434320-72435655	0	0	0	1
XLOC_022879	TRPM3	chr9:73149965-73736514	0	0	0	1
XLOC_022880	MIR204	chr9:73149965-73736514	0	0	0	1
XLOC_022883	C9orf57	chr9:74666296-74675521	0	0	0	1
XLOC_022890	MIR548H3	chr9:78118511-78338744	0	0	0	1
XLOC_022893	VPS13A-AS1	chr9:79791671-80032399	0	0	0	1
XLOC_022894	GNA14	chr9:80037994-80263232	0	0	0	1
XLOC_022897	RASEF	chr9:85594499-85678043	0	0	0	1
XLOC_022904	MIR7-1	chr9:86582997-86595569	0	0	0	1
XLOC_022913	LOC494127	chr9:89698800-89700140	0	0	0	1
XLOC_022916	SPATA31C2	chr9:90744219-90749900	0	0	0	1
XLOC_022917	LOC286238	chr9:91262093-91267075	0	0	0	1
XLOC_022918	MIR4289	chr9:91360750-91360820	0	0	0	1
XLOC_022921	LOC286370	chr9:92782935-92803781	0	0	0	1
XLOC_022922	MIR4290	chr9:92782935-92803781	0	0	0	1
XLOC_022923	LOC340515	chr9:93224713-93345028	0	0	0	1
XLOC_022924	DIRAS2	chr9:93372113-93405108	0	0	0	1
XLOC_022925	LOC100129316	chr9:93825575-93837414	0	0	0	1
XLOC_022928	MIR3910-2	chr9:94398532-94398643	0	0	0	1
XLOC_022929	ROR2	chr9:94484877-94712444	0	0	0	1
XLOC_022934	OGN	chr9:95059639-95432547	0	0	0	1
XLOC_022935	OMD	chr9:95059639-95432547	0	0	0	1
XLOC_022938	MIR4670	chr9:95059639-95432547	0	0	0	1
XLOC_022945	BARX1	chr9:96713908-96717608	0	0	0	1
XLOC_022947	FAM22F	chr9:97080477-97090926	0	0	0	1
XLOC_022949	FBP1	chr9:97365420-97402531	0	0	0	1
XLOC_022950	MIR3074	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022954	LINC00092	chr9:98782013-98784037	0	0	0	1
XLOC_022955	LOC158434	chr9:98868942-98878693	0	0	0	1
XLOC_022965	LOC340508	chr9:99837952-99844227	0	0	0	1
XLOC_022966	LOC286359	chr9:100153118-100158973	0	0	0	1
XLOC_022970	HEMGN	chr9:100689072-100707134	0	0	0	1
XLOC_022985	PPP3R2	chr9:104331633-104500862	0	0	0	1
XLOC_022986	OR13C4	chr9:107288533-107289490	0	0	0	1
XLOC_022987	OR13C3	chr9:107298050-107299094	0	0	0	1
XLOC_022988	OR13C5	chr9:107360737-107361694	0	0	0	1
XLOC_022989	OR13C2	chr9:107366951-107367908	0	0	0	1
XLOC_022990	OR13C9	chr9:107379528-107380488	0	0	0	1
XLOC_022992	MIR548Q	chr9:109625377-109848716	0	0	0	1
XLOC_022998	MIR32	chr9:111777414-111882228	0	0	0	1
XLOC_022999	FRRS1L	chr9:111899580-111929577	0	0	0	1
XLOC_023004	TXNDC8	chr9:113065866-113100128	0	0	0	1
XLOC_023005	SVEP1	chr9:113127528-113342160	0	0	0	1
XLOC_023006	LPAR1	chr9:113636053-113800368	0	0	0	1
XLOC_023007	OR2K2	chr9:114089762-114090713	0	0	0	1
XLOC_023010	LRRRC37A5P	chr9:114365110-114375833	0	0	0	1
XLOC_023026	AMBP	chr9:116822407-116840752	0	0	0	1

XLOC_023030	LOC100505478	chr9:117428713-117444368	0	0	0	1
XLOC_023032	TNFSF8	chr9:117655622-117692878	0	0	0	1
XLOC_023033	TNC	chr9:117781853-117880538	0	0	0	1
XLOC_023034	LINC00474	chr9:118650543-118687377	0	0	0	1
XLOC_023036	SNORA70C	chr9:119187503-120177317	0	0	0	1
XLOC_023037	DBC1	chr9:121928907-122131738	0	0	0	1
XLOC_023038	MIR147A	chr9:123007256-123007328	0	0	0	1
XLOC_023050	MIR4478	chr9:124882360-124882448	0	0	0	1
XLOC_023052	LHX6	chr9:124964855-124991097	0	0	0	1
XLOC_023054	OR1J1	chr9:125239236-125240208	0	0	0	1
XLOC_023055	OR1N1	chr9:125288636-125289572	0	0	0	1
XLOC_023056	OR1L8	chr9:125329826-125330758	0	0	0	1
XLOC_023057	OR1B1	chr9:125390857-125391818	0	0	0	1
XLOC_023060	SNORD90	chr9:125611731-125667562	0	0	0	1
XLOC_023066	MIR601	chr9:126141932-126692417	0	0	0	1
XLOC_023077	ANGPTL2	chr9:129677052-129985448	0	0	0	1
XLOC_023087	MIR4672	chr9:130628758-130640022	0	0	0	1
XLOC_023097	MIR199B	chr9:130928343-131017527	0	0	0	1
XLOC_023098	MIR3154	chr9:130928343-131017527	0	0	0	1
XLOC_023101	MIR219-2	chr9:131154896-131154993	0	0	0	1
XLOC_023130	GBGT1	chr9:136028339-136039307	0	0	0	1
XLOC_023131	OBP2B	chr9:136080665-136084628	0	0	0	1
XLOC_023139	TMEM8C	chr9:136379707-136390068	0	0	0	1
XLOC_023140	FAM163B	chr9:136443536-136445368	0	0	0	1
XLOC_023145	MIR3689A,MIR3689E	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023146	MIR3689C	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023147	MIR3689D1	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023148	MIR3689B	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023149	MIR3689D2	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023150	MIR3689F	chr9:137742587-137742653	0	0	0	1
XLOC_023151	FCN1	chr9:137801430-137809800	0	0	0	1
XLOC_023154	GLT6D1	chr9:138515501-138531388	0	0	0	1
XLOC_023155	SOHLH1	chr9:138585254-138591378	0	0	0	1
XLOC_023170	MIR4673	chr9:139388895-139440238	0	0	0	1
XLOC_023171	MIR4674	chr9:139440624-139440711	0	0	0	1
XLOC_023175	LCN6	chr9:139638468-139644363	0	0	0	1
XLOC_023176	LCN8	chr9:139648839-139652737	0	0	0	1
XLOC_023190	MIR3621	chr9:140033608-140064497	0	0	0	1
XLOC_023233	LINC00685	chrX:281384-282054	0	0	0	1
XLOC_023234	SHOX	chrX:585078-620146	0	0	0	1
XLOC_023235	CSF2RA	chrX:1387692-1428828	0	0	0	1
XLOC_023236	MIR3690	chrX:1387692-1428828	0	0	0	1
XLOC_023237	IL3RA	chrX:1455508-1501582	0	0	0	1
XLOC_023238	ASMTL-AS1	chrX:1519423-1572655	0	0	0	1
XLOC_023239	AKAP17A,ASMT	chrX:1710485-1761974	0	0	0	1
XLOC_023240	CD99P1	chrX:2527305-2575270	0	0	0	1
XLOC_023241	CD99	chrX:2609227-2659350	0	0	0	1
XLOC_023243	GYG2	chrX:2746862-2800861	0	0	0	1
XLOC_023244	ARSH	chrX:2924653-2951426	0	0	0	1
XLOC_023245	ARSF	chrX:2958274-3030770	0	0	0	1
XLOC_023247	MIR4767	chrX:6966960-7066231	0	0	0	1
XLOC_023249	VCX	chrX:7810302-7812184	0	0	0	1
XLOC_023250	MIR651	chrX:8095005-8095102	0	0	0	1
XLOC_023256	CLCN4	chrX:10124984-10205699	0	0	0	1
XLOC_023258	AMELX	chrX:11155662-11683821	0	0	0	1
XLOC_023260	FRMPD4	chrX:12156584-12742642	0	0	0	1
XLOC_023262	TLR7	chrX:12885201-12908480	0	0	0	1
XLOC_023263	TLR8	chrX:12920935-12961419	0	0	0	1
XLOC_023265	LOC100093698	chrX:13328770-13338518	0	0	0	1
XLOC_023266	LOC100133123	chrX:13353359-13359944	0	0	0	1
XLOC_023267	EGFL6	chrX:13587693-13651694	0	0	0	1
XLOC_023271	GLRA2	chrX:14547419-14749933	0	0	0	1
XLOC_023273	BMX	chrX:15518899-15574652	0	0	0	1
XLOC_023278	S100G	chrX:16606121-16731059	0	0	0	1
XLOC_023283	MIR4768	chrX:17393542-17754113	0	0	0	1
XLOC_023289	CNKSR2	chrX:21392535-21672813	0	0	0	1
XLOC_023294	ZNF645	chrX:22277913-23311263	0	0	0	1
XLOC_023295	DDX53	chrX:22277913-23311263	0	0	0	1
XLOC_023302	SUPT20HL1	chrX:24380877-24383541	0	0	0	1
XLOC_023306	MAGEB18	chrX:26156459-26158853	0	0	0	1
XLOC_023308	MAGEB5	chrX:26234285-26236387	0	0	0	1
XLOC_023309	VENTXP1	chrX:26576453-26579169	0	0	0	1
XLOC_023310	DCAF8L2	chrX:27764925-27766938	0	0	0	1
XLOC_023311	MAGEB10	chrX:27826106-27841131	0	0	0	1
XLOC_023312	IL1RAPL1	chrX:28605680-29974017	0	0	0	1
XLOC_023314	MAGEB3	chrX:30248552-30255610	0	0	0	1
XLOC_023315	MAGEB1,MAGEB4	chrX:30260056-30270155	0	0	0	1
XLOC_023317	FAM47B	chrX:34960912-34963034	0	0	0	1
XLOC_023318	MAGEB16	chrX:35816458-35821852	0	0	0	1

XLOC_023322	FAM47C	chrX:37026431-37029739	0	0	0	1
XLOC_023327	CXorf27	chrX:37850069-37850570	0	0	0	1
XLOC_023328	SYTL5	chrX:37865834-37988073	0	0	0	1
XLOC_023336	NYX	chrX:41306712-41334905	0	0	0	1
XLOC_023340	DUSP21	chrX:44703248-44704134	0	0	0	1
XLOC_023352	ZNF157	chrX:47229998-47273098	0	0	0	1
XLOC_023353	SNORA11C	chrX:47229998-47273098	0	0	0	1
XLOC_023356	MIR4769	chrX:47420498-47479256	0	0	0	1
XLOC_023358	CXXC1P1	chrX:47566589-47596027	0	0	0	1
XLOC_023360	SPACA5,SPACA5B	chrX:47863733-47869128	0	0	0	1
XLOC_023361	SSX6	chrX:47967366-47980068	0	0	0	1
XLOC_023362	SPACA5,SPACA5B	chrX:47986602-47991997	0	0	0	1
XLOC_023363	SSX1	chrX:48114796-48126879	0	0	0	1
XLOC_023364	SSX4B	chrX:48242956-48252785	0	0	0	1
XLOC_023373	GLOD5	chrX:48620153-48632064	0	0	0	1
XLOC_023374	GATA1	chrX:48644981-48652717	0	0	0	1
XLOC_023383	GAGE10	chrX:49160124-49176311	0	0	0	1
XLOC_023384	GAGE12J	chrX:49178515-49185866	0	0	0	1
XLOC_023386	GAGE12D	chrX:49315880-49323262	0	0	0	1
XLOC_023387	GAGE12D,GAGE12F	chrX:49325433-49332821	0	0	0	1
XLOC_023388	GAGE12D,GAGE12F	chrX:49334991-49342370	0	0	0	1
XLOC_023389	GAGE12D	chrX:49344540-49351917	0	0	0	1
XLOC_023390	GAGE2A	chrX:49354117-49361430	0	0	0	1
XLOC_023391	GAGE1	chrX:49363615-49373139	0	0	0	1
XLOC_023395	MIR532	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023396	MIR188	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023397	MIR500A	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023398	MIR362	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023399	MIR501	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023400	MIR500B	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023401	MIR660	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023402	MIR502	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023404	BMP15	chrX:50653734-50659641	0	0	0	1
XLOC_023405	NUDT10	chrX:51075082-51080377	0	0	0	1
XLOC_023406	CENPVP2	chrX:51453924-51455226	0	0	0	1
XLOC_023410	MAGED4	chrX:51927918-51935366	0	0	0	1
XLOC_023411	XAGE2,XAGE2B	chrX:52112077-52118822	0	0	0	1
XLOC_023412	XAGE1C,XAGE1E	chrX:52238809-52243953	0	0	0	1
XLOC_023413	XAGE1B,XAGE1C	chrX:52511760-52516904	0	0	0	1
XLOC_023414	SSX8	chrX:52651984-52662998	0	0	0	1
XLOC_023415	SSX2,SSX2B	chrX:52780307-52790617	0	0	0	1
XLOC_023416	XAGE5	chrX:52841227-52847322	0	0	0	1
XLOC_023417	FAM156A,FAM156B	chrX:52926321-52937585	0	0	0	1
XLOC_023418	GPR173	chrX:53078505-53109796	0	0	0	1
XLOC_023424	SNORA11	chrX:54834170-54842445	0	0	0	1
XLOC_023428	PAGE2	chrX:55115496-55119260	0	0	0	1
XLOC_023429	PAGE5	chrX:55246790-55250541	0	0	0	1
XLOC_023430	MIR4536-1	chrX:55477892-55477953	0	0	0	1
XLOC_023431	MAGEH1	chrX:55478537-55479999	0	0	0	1
XLOC_023432	FOXK2	chrX:55649832-55652621	0	0	0	1
XLOC_023434	KLF8	chrX:56258821-56314322	0	0	0	1
XLOC_023441	MIR223	chrX:65238711-65238821	0	0	0	1
XLOC_023443	AR	chrX:66763873-66950461	0	0	0	1
XLOC_023447	FAM155B	chrX:68725077-68752351	0	0	0	1
XLOC_023448	EDA	chrX:68835910-69259321	0	0	0	1
XLOC_023449	MIR676	chrX:68835910-69259321	0	0	0	1
XLOC_023453	AWAT1	chrX:69454504-69460511	0	0	0	1
XLOC_023454	ARR3	chrX:69488184-69501690	0	0	0	1
XLOC_023462	GJB1	chrX:70430034-70948962	0	0	0	1
XLOC_023468	FLJ46446	chrX:70430034-70948962	0	0	0	1
XLOC_023469	CXorf49B	chrX:70983139-70987051	0	0	0	1
XLOC_023470	NHSL2	chrX:71130937-71363424	0	0	0	1
XLOC_023472	FLJ44635	chrX:71364033-71381600	0	0	0	1
XLOC_023474	DMRTC1B	chrX:72064875-72068636	0	0	0	1
XLOC_023475	LINC00684	chrX:72158002-72158798	0	0	0	1
XLOC_023476	PABPC1L2B	chrX:72223351-72225551	0	0	0	1
XLOC_023477	CDX4	chrX:72667089-72674421	0	0	0	1
XLOC_023481	MIR374C	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023482	ZCCHC13	chrX:73524024-73524869	0	0	0	1
XLOC_023486	MAGEE1	chrX:75648045-75651746	0	0	0	1
XLOC_023487	FGF16	chrX:76709646-76712013	0	0	0	1
XLOC_023491	LPAR4	chrX:78003205-78012578	0	0	0	1
XLOC_023492	P2RY10	chrX:78200828-78217438	0	0	0	1
XLOC_023493	GPR174	chrX:78426468-78427726	0	0	0	1
XLOC_023494	TBX22	chrX:79270254-79287268	0	0	0	1
XLOC_023495	FAM46D	chrX:79591002-79700810	0	0	0	1
XLOC_023497	POU3F4	chrX:82763268-82764775	0	0	0	1
XLOC_023498	CYLC1	chrX:83116133-83141708	0	0	0	1
XLOC_023499	UBE2DNL	chrX:84189156-84189896	0	0	0	1

XLOC_023502	DACH2	chrX:85403454-86087605	0	0	0	1
XLOC_023503	KLHL4	chrX:86772714-86925050	0	0	0	1
XLOC_023504	CPXCR1	chrX:88002225-88009785	0	0	0	1
XLOC_023505	TGIF2LX	chrX:89176939-89177882	0	0	0	1
XLOC_023506	PABPC5	chrX:90689596-90693583	0	0	0	1
XLOC_023507	PCDH11X	chrX:91034259-91878228	0	0	0	1
XLOC_023508	FAM133A	chrX:92929011-92967273	0	0	0	1
XLOC_023511	TNMD	chrX:99839789-99854882	0	0	0	1
XLOC_023523	NXF2B	chrX:101502093-10158163	0	0	0	1
XLOC_023524	NXF4	chrX:101804892-10182662	0	0	0	1
XLOC_023531	TCEAL7	chrX:102585113-10258725	0	0	0	1
XLOC_023538	TMEM31	chrX:102962271-10298355	0	0	0	1
XLOC_023539	PLP1	chrX:103031438-10304754	0	0	0	1
XLOC_023540	TMSB15B	chrX:103139054-10340170	0	0	0	1
XLOC_023541	H2BFXP	chrX:103139054-10340170	0	0	0	1
XLOC_023542	H2BFM	chrX:103139054-10340170	0	0	0	1
XLOC_023543	ZCCHC18	chrX:103139054-10340170	0	0	0	1
XLOC_023545	IL1RAPL2	chrX:103810995-10501182	0	0	0	1
XLOC_023546	NRK	chrX:105066535-10520260	0	0	0	1
XLOC_023547	MUM1L1	chrX:105412297-10545294	0	0	0	1
XLOC_023549	RNF128	chrX:105937067-10604024	0	0	0	1
XLOC_023552	PIH1D3	chrX:106449861-10648747	0	0	0	1
XLOC_023557	COL4A5	chrX:107683073-10794077	0	0	0	1
XLOC_023560	MIR3978	chrX:109245862-10942101	0	0	0	1
XLOC_023562	TDGF1P3	chrX:109763539-10976624	0	0	0	1
XLOC_023563	PAK3	chrX:110187512-11046417	0	0	0	1
XLOC_023564	DKFZp686D0853	chrX:110754889-11076562	0	0	0	1
XLOC_023566	TRPC5OS	chrX:111017541-11132600	0	0	0	1
XLOC_023567	ZCCHC16	chrX:111326252-11170047	0	0	0	1
XLOC_023568	HTR2C	chrX:113818550-11414462	0	0	0	1
XLOC_023569	SNORA35	chrX:113818550-11414462	0	0	0	1
XLOC_023570	MIR764	chrX:113818550-11414462	0	0	0	1
XLOC_023571	MIR1912	chrX:113818550-11414462	0	0	0	1
XLOC_023572	MIR1264	chrX:113818550-11414462	0	0	0	1
XLOC_023573	MIR1298	chrX:113818550-11414462	0	0	0	1
XLOC_023574	MIR1911	chrX:113818550-11414462	0	0	0	1
XLOC_023575	MIR448	chrX:113818550-11414462	0	0	0	1
XLOC_023576	RBMXL3	chrX:114345182-11446863	0	0	0	1
XLOC_023580	SLC6A14	chrX:115567746-11559262	0	0	0	1
XLOC_023582	MIR1277	chrX:117480035-11758392	0	0	0	1
XLOC_023594	RHOXF2B	chrX:119292466-11929794	0	0	0	1
XLOC_023596	ATP1B4	chrX:119495939-11951710	0	0	0	1
XLOC_023602	SH2D1A	chrX:123480131-12350701	0	0	0	1
XLOC_023603	LOC100129520	chrX:124453968-12445695	0	0	0	1
XLOC_023604	CXorf64	chrX:125953746-12595576	0	0	0	1
XLOC_023606	XPNPEP2	chrX:128872945-12890352	0	0	0	1
XLOC_023607	SASH3	chrX:128913891-12892917	0	0	0	1
XLOC_023614	ARHGAP36	chrX:130192215-13022385	0	0	0	1
XLOC_023615	OR13H1	chrX:130678047-13067897	0	0	0	1
XLOC_023617	HS6ST2-AS1	chrX:131760037-13209542	0	0	0	1
XLOC_023618	CCDC160	chrX:133371076-13337980	0	0	0	1
XLOC_023623	SMIM10	chrX:134124967-13412650	0	0	0	1
XLOC_023624	FAM127A	chrX:134166332-13416757	0	0	0	1
XLOC_023626	LINC00086	chrX:134555867-13456022	0	0	0	1
XLOC_023628	CT45A1	chrX:134847184-13485698	0	0	0	1
XLOC_023629	CT45A2,CT45A3,CT45A4	chrX:134866213-13489151	0	0	0	1
XLOC_023630	SAGE1	chrX:134975784-13499522	0	0	0	1
XLOC_023633	GPR112	chrX:135383121-13549904	0	0	0	1
XLOC_023634	BRS3	chrX:135570124-13557459	0	0	0	1
XLOC_023636	VGLL1	chrX:135614310-13563896	0	0	0	1
XLOC_023637	MIR934	chrX:135614310-13563896	0	0	0	1
XLOC_023638	LOC100128420	chrX:135721701-13572458	0	0	0	1
XLOC_023640	ZIC3	chrX:136648345-13665425	0	0	0	1
XLOC_023641	FGF13-AS1	chrX:137713733-13828718	0	0	0	1
XLOC_023642	SRD5A1P1	chrX:138528977-13853113	0	0	0	1
XLOC_023643	F9	chrX:138612894-13864561	0	0	0	1
XLOC_023644	LOC389895	chrX:139173825-13917507	0	0	0	1
XLOC_023645	RP1-177G6.2	chrX:139791923-13979699	0	0	0	1
XLOC_023646	SPANXB2	chrX:140084755-14008587	0	0	0	1
XLOC_023647	SPANXB1	chrX:140096760-14009787	0	0	0	1
XLOC_023648	SPANXA2-OT1	chrX:140590842-14073806	0	0	0	1
XLOC_023649	SPANXA2	chrX:140590842-14073806	0	0	0	1
XLOC_023650	MAGEC3	chrX:140926101-14098561	0	0	0	1
XLOC_023651	MAGEC1	chrX:140991641-14099718	0	0	0	1
XLOC_023652	SPANXN4	chrX:142113703-14212206	0	0	0	1
XLOC_023653	UBE2NL	chrX:142967172-14296835	0	0	0	1
XLOC_023654	SPANXN1	chrX:144329106-14433772	0	0	0	1
XLOC_023656	TMEM257	chrX:144908927-14491137	0	0	0	1
XLOC_023657	CXorf51B	chrX:145891301-14589192	0	0	0	1

XLOC_023660	AFF2	chrX:147582138-14808219:	0	0	0	1
XLOC_023662	MAGEA11	chrX:148769902-14879892:	0	0	0	1
XLOC_023663	HSFX2	chrX:148855725-14885852:	0	0	0	1
XLOC_023664	MAGEA9B	chrX:148863592-14886939:	0	0	0	1
XLOC_023665	MAGEA8	chrX:149009940-14901460:	0	0	0	1
XLOC_023667	MIR2114	chrX:149396238-14939631:	0	0	0	1
XLOC_023672	MIR4330	chrX:150336693-15033679:	0	0	0	1
XLOC_023673	GPR50	chrX:150345055-15034993:	0	0	0	1
XLOC_023675	PASD1	chrX:150732006-15084521:	0	0	0	1
XLOC_023676	PRRG3	chrX:150863729-15087006:	0	0	0	1
XLOC_023677	FATE1	chrX:150884507-15089166:	0	0	0	1
XLOC_023678	CNGA2	chrX:150903217-15091403:	0	0	0	1
XLOC_023680	GABRQ	chrX:151806636-15182182:	0	0	0	1
XLOC_023681	MAGEA6	chrX:151867244-15187081:	0	0	0	1
XLOC_023682	MAGEA2,MAGEA2B	chrX:151883118-15188709:	0	0	0	1
XLOC_023684	CSAG2,CSAG3	chrX:151927733-15192873:	0	0	0	1
XLOC_023687	PNMA3	chrX:152224765-15222882:	0	0	0	1
XLOC_023688	PNMA6C,PNMA6D	chrX:152240726-15224340:	0	0	0	1
XLOC_023690	ZFP92	chrX:152683780-15268708:	0	0	0	1
XLOC_023691	BGN	chrX:152713122-15277500:	0	0	0	1
XLOC_023701	MIR3202-1	chrX:153237990-15324864:	0	0	0	1
XLOC_023702	OPN1LW	chrX:153409724-15342450:	0	0	0	1
XLOC_023703	OPN1MW	chrX:153448084-15346235:	0	0	0	1
XLOC_023704	OPN1MW	chrX:153485202-15352356:	0	0	0	1
XLOC_023715	FAM223B	chrX:153799478-15380018:	0	0	0	1
XLOC_023716	CTAG1B	chrX:153813417-15381507:	0	0	0	1
XLOC_023719	SNORA56	chrX:153991030-15400596:	0	0	0	1
XLOC_023720	H2AFB1	chrX:154064063-15425099:	0	0	0	1
XLOC_023725	H2AFB3	chrX:154610427-15461094:	0	0	0	1
XLOC_023726	F8A1	chrX:154611748-15461345:	0	0	0	1
XLOC_023727	MIR1184-3	chrX:154686574-15468827:	0	0	0	1
XLOC_023728	TMLHE-AS1	chrX:154696200-15484262:	0	0	0	1
XLOC_023729	SPRY3	chrX:154997450-15501211:	0	0	0	1
XLOC_023730	VAMP7	chrX:155110942-15517343:	0	0	0	1
XLOC_023731	IL9R	chrX:155227245-15524048:	0	0	0	1
XLOC_023732	GTPBP6	chrX:221425-230887	0	0	0	1
XLOC_023733	PPP2R3B	chrX:294667-347690	0	0	0	1
XLOC_023734	CRLF2	chrX:1314886-1331530	0	0	0	1
XLOC_023735	SLC25A6	chrX:1505044-1511039	0	0	0	1
XLOC_023736	ASMTL	chrX:1519423-1572655	0	0	0	1
XLOC_023737	P2RY8	chrX:1581465-1656037	0	0	0	1
XLOC_023738	DHRX,ZBED1	chrX:2137554-2419015	0	0	0	1
XLOC_023741	ARSE	chrX:2852672-2882494	0	0	0	1
XLOC_023742	MXRA5	chrX:3226608-3264684	0	0	0	1
XLOC_023745	NLGN4X	chrX:5808082-6146706	0	0	0	1
XLOC_023746	MIR4770	chrX:6301946-6302004	0	0	0	1
XLOC_023747	VCX3A	chrX:6451658-6453159	0	0	0	1
XLOC_023750	VCX2	chrX:8137984-8139308	0	0	0	1
XLOC_023751	KAL1	chrX:8496914-8700227	0	0	0	1
XLOC_023752	FAM9A	chrX:8758836-8769424	0	0	0	1
XLOC_023753	FAM9B	chrX:8993036-9001116	0	0	0	1
XLOC_023756	ARHGAP6	chrX:11155662-11683821	0	0	0	1
XLOC_023757	TLR8-AS1	chrX:12920935-12961419	0	0	0	1
XLOC_023758	FAM9C	chrX:13053735-13062917	0	0	0	1
XLOC_023759	ATXN3L	chrX:13328770-13338518	0	0	0	1
XLOC_023764	ASB9	chrX:15262108-15288589	0	0	0	1
XLOC_023765	ASB11	chrX:15299830-15333746	0	0	0	1
XLOC_023774	RAI2	chrX:17818168-17879457	0	0	0	1
XLOC_023775	BEND2	chrX:18181050-18239024	0	0	0	1
XLOC_023776	SCML2	chrX:18257432-18372844	0	0	0	1
XLOC_023783	LOC729609	chrX:20004934-20007897	0	0	0	1
XLOC_023785	MIR23C	chrX:20024830-20135114	0	0	0	1
XLOC_023789	KLHL34	chrX:21673608-21676448	0	0	0	1
XLOC_023790	SMPX	chrX:21724089-21776278	0	0	0	1
XLOC_023791	PHEX-AS1	chrX:22050920-22266478	0	0	0	1
XLOC_023792	LOC100873065	chrX:22277913-23311263	0	0	0	1
XLOC_023797	SUPT20HL2	chrX:24328978-24331432	0	0	0	1
XLOC_023800	SMEK3P	chrX:27478327-27481458	0	0	0	1
XLOC_023801	DCAF8L1	chrX:27996109-27999566	0	0	0	1
XLOC_023802	NR0B1	chrX:30322538-30327495	0	0	0	1
XLOC_023803	CXorf21	chrX:30576940-30596033	0	0	0	1
XLOC_023805	FTHL17	chrX:31089357-31090170	0	0	0	1
XLOC_023806	DMD	chrX:31137344-33357726	0	0	0	1
XLOC_023807	FAM47A	chrX:34147868-34150447	0	0	0	1
XLOC_023808	TMEM47	chrX:34645180-34675405	0	0	0	1
XLOC_023813	LOC286442	chrX:39164209-39186616	0	0	0	1
XLOC_023817	LOC100132831	chrX:40690469-40692449	0	0	0	1
XLOC_023819	PPP1R2P9	chrX:42636616-42637486	0	0	0	1
XLOC_023820	MAOB	chrX:43625856-43741721	0	0	0	1

XLOC_023821	NDP	chrX:43808023-43832921	0	0	0	1
XLOC_023822	EFHC2	chrX:44007127-44202923	0	0	0	1
XLOC_023826	MIR222	chrX:45606420-45606530	0	0	0	1
XLOC_023839	SSX9	chrX:48160984-48165614	0	0	0	1
XLOC_023840	SSX3	chrX:48205862-48216142	0	0	0	1
XLOC_023841	SSX4B	chrX:48261523-48271355	0	0	0	1
XLOC_023856	CACNA1F	chrX:49061522-49089833	0	0	0	1
XLOC_023858	PAGE1	chrX:49452053-49460596	0	0	0	1
XLOC_023860	AKAP4	chrX:49955410-49965664	0	0	0	1
XLOC_023861	DGKK	chrX:50111878-50213721	0	0	0	1
XLOC_023863	NUDT11	chrX:51232862-51239459	0	0	0	1
XLOC_023864	CENPVP2	chrX:51424145-51425447	0	0	0	1
XLOC_023865	MAGED4,MAGED4B	chrX:51804922-51812368	0	0	0	1
XLOC_023866	SNORA11D	chrX:51804922-51812368	0	0	0	1
XLOC_023867	SNORA11E	chrX:51927918-51935366	0	0	0	1
XLOC_023868	XAGE1B,XAGE1D	chrX:52255219-52260363	0	0	0	1
XLOC_023869	XAGE2,XAGE2B	chrX:52380351-52387096	0	0	0	1
XLOC_023870	XAGE1C	chrX:52528159-52533303	0	0	0	1
XLOC_023871	XAGE1A,XAGE1C	chrX:52541053-52546197	0	0	0	1
XLOC_023872	SSX7	chrX:52673110-52683950	0	0	0	1
XLOC_023873	SSX2	chrX:52725945-52736249	0	0	0	1
XLOC_023874	SPANXN5	chrX:52825185-52826388	0	0	0	1
XLOC_023875	XAGE3	chrX:52891557-52897119	0	0	0	1
XLOC_023882	MIR98	chrX:53559056-53713697	0	0	0	1
XLOC_023883	MIRLET7F2	chrX:53559056-53713697	0	0	0	1
XLOC_023890	ALAS2	chrX:55035487-55057497	0	0	0	1
XLOC_023893	PAGE3	chrX:55284848-55291165	0	0	0	1
XLOC_023894	USP51	chrX:55511048-55515631	0	0	0	1
XLOC_023899	ZXDA	chrX:57931863-57937067	0	0	0	1
XLOC_023903	MIR1468	chrX:63005881-63005967	0	0	0	1
XLOC_023905	ASB12	chrX:63444071-63450511	0	0	0	1
XLOC_023906	MTMR8	chrX:63487960-63615333	0	0	0	1
XLOC_023909	FRMD8P1	chrX:64770501-64772301	0	0	0	1
XLOC_023910	VSIG4	chrX:65241579-65259967	0	0	0	1
XLOC_023918	SLC7A3	chrX:70145429-70150975	0	0	0	1
XLOC_023920	CXorf65	chrX:70323738-70326638	0	0	0	1
XLOC_023926	CXorf49B	chrX:70430034-70948962	0	0	0	1
XLOC_023927	RGAG4	chrX:71130937-71363424	0	0	0	1
XLOC_023933	LINC00684	chrX:72001688-72002484	0	0	0	1
XLOC_023934	DMRTC1B	chrX:72091858-72095622	0	0	0	1
XLOC_023936	PABPC1L2A	chrX:72297176-72299351	0	0	0	1
XLOC_023938	NAP1L2	chrX:72432136-72434710	0	0	0	1
XLOC_023942	MIR421	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023943	MIR374B	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023944	MIR545	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023945	MIR374A	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023947	KIAA2022	chrX:73952690-74145287	0	0	0	1
XLOC_023951	MAGEE2	chrX:75002822-75005079	0	0	0	1
XLOC_023952	MIR384	chrX:76139697-76139785	0	0	0	1
XLOC_023957	CYSLTR1	chrX:77528129-77583087	0	0	0	1
XLOC_023958	ZCCHC5	chrX:77911565-77914825	0	0	0	1
XLOC_023959	MIR4328	chrX:78156690-78156746	0	0	0	1
XLOC_023960	ITM2A	chrX:78615880-78623049	0	0	0	1
XLOC_023963	RPS6KA6	chrX:83313353-83442943	0	0	0	1
XLOC_023964	HDX	chrX:83572881-83757487	0	0	0	1
XLOC_023968	NAP1L3	chrX:92925924-92928682	0	0	0	1
XLOC_023969	LOC643486	chrX:95592084-95592901	0	0	0	1
XLOC_023970	LOC442459	chrX:98716599-99194841	0	0	0	1
XLOC_023971	PCDH19	chrX:99546641-99665271	0	0	0	1
XLOC_023983	NXF5	chrX:101087084-101112541	0	0	0	1
XLOC_023987	NXF2	chrX:101615315-101694921	0	0	0	1
XLOC_023988	TMSB15A	chrX:101768609-101771691	0	0	0	1
XLOC_023989	BEX1	chrX:102317580-102319161	0	0	0	1
XLOC_023990	NXF3	chrX:102330749-102348021	0	0	0	1
XLOC_023993	BEX2	chrX:102564273-102565971	0	0	0	1
XLOC_023996	GLRA4	chrX:102962271-102983551	0	0	0	1
XLOC_023999	H2BFWT	chrX:103139054-103401701	0	0	0	1
XLOC_024000	H2BFXP	chrX:103139054-103401701	0	0	0	1
XLOC_024002	ESX1	chrX:103494718-103499591	0	0	0	1
XLOC_024003	TEX13A	chrX:103810995-105011821	0	0	0	1
XLOC_024004	SERPINA7	chrX:105277189-105282711	0	0	0	1
XLOC_024008	NUP62CL	chrX:106366656-106449671	0	0	0	1
XLOC_024013	IRS4	chrX:107975726-107979601	0	0	0	1
XLOC_024014	GUCY2F	chrX:108616134-108725281	0	0	0	1
XLOC_024018	SNORD96B	chrX:109437413-109699561	0	0	0	1
XLOC_024021	DCX	chrX:110537006-110664831	0	0	0	1
XLOC_024022	RNU6-28	chrX:110537006-110664831	0	0	0	1
XLOC_024023	TRPC5	chrX:111017541-111326001	0	0	0	1
XLOC_024024	LHFPL1	chrX:111873878-111923371	0	0	0	1

XLOC_024026	MIR4329	chrX:112018104-11208404:	0	0	0	1
XLOC_024028	LRCH2	chrX:114345182-11446863:	0	0	0	1
XLOC_024029	CXorf61	chrX:115592852-11559419:	0	0	0	1
XLOC_024030	KLHL13	chrX:117031775-11725130:	0	0	0	1
XLOC_024031	KIAA1210	chrX:118212597-11828454:	0	0	0	1
XLOC_024036	MIR766	chrX:118749687-11882733:	0	0	0	1
XLOC_024038	SNORA69	chrX:118920468-11892560:	0	0	0	1
XLOC_024042	RHOXF2B	chrX:119206228-11921170:	0	0	0	1
XLOC_024043	RHOXF1	chrX:119243010-11924984:	0	0	0	1
XLOC_024049	CT47B1	chrX:120006451-12000977:	0	0	0	1
XLOC_024050	CT47A1,CT47A4	chrX:120011344-12006615:	0	0	0	1
XLOC_024051	CT47A8	chrX:120067694-12007101:	0	0	0	1
XLOC_024052	CT47A11	chrX:120072555-12007587:	0	0	0	1
XLOC_024053	CT47A5	chrX:120077415-12008073:	0	0	0	1
XLOC_024054	CT47A3	chrX:120082276-12008559:	0	0	0	1
XLOC_024055	CT47A7	chrX:120087136-12009045:	0	0	0	1
XLOC_024056	CT47A1,CT47A2,CT47A6	chrX:120092019-12010019:	0	0	0	1
XLOC_024057	CT47A2	chrX:120101740-12010505:	0	0	0	1
XLOC_024058	CT47A9	chrX:120106600-12010991:	0	0	0	1
XLOC_024059	CT47A8	chrX:120111460-12011477:	0	0	0	1
XLOC_024060	CT47A6	chrX:120116320-12011963:	0	0	0	1
XLOC_024062	TENM1	chrX:123509755-12409766:	0	0	0	1
XLOC_024063	DCAF12L2	chrX:125297481-12530008:	0	0	0	1
XLOC_024064	DCAF12L1	chrX:125683365-12568684:	0	0	0	1
XLOC_024065	ACTRT1	chrX:127184940-12718638:	0	0	0	1
XLOC_024072	GPR119	chrX:129518318-12951951:	0	0	0	1
XLOC_024074	IGSF1	chrX:130407482-13042340:	0	0	0	1
XLOC_024076	FRMD7	chrX:131211020-13126205:	0	0	0	1
XLOC_024079	HS6ST2	chrX:131760037-13209542:	0	0	0	1
XLOC_024080	USP26	chrX:132159506-13216230:	0	0	0	1
XLOC_024081	TFDP3	chrX:132350696-13235237:	0	0	0	1
XLOC_024083	GPC3	chrX:132669775-13311967:	0	0	0	1
XLOC_024084	MIR363	chrX:133303407-13330348:	0	0	0	1
XLOC_024085	MIR92A2	chrX:133303567-13330364:	0	0	0	1
XLOC_024086	MIR19B2	chrX:133303700-13330379:	0	0	0	1
XLOC_024087	MIR20B	chrX:133303838-13330390:	0	0	0	1
XLOC_024088	MIR18B	chrX:133304070-13330414:	0	0	0	1
XLOC_024089	MIR106A	chrX:133304227-13330430:	0	0	0	1
XLOC_024090	MIR450B	chrX:133674214-13367429:	0	0	0	1
XLOC_024091	MIR450A1	chrX:133674370-13367446:	0	0	0	1
XLOC_024092	MIR450A2	chrX:133674537-13367463:	0	0	0	1
XLOC_024093	MIR542	chrX:133675370-13367546:	0	0	0	1
XLOC_024094	MGC16121,MIR424	chrX:133677406-13368074:	0	0	0	1
XLOC_024095	MIR503	chrX:133677406-13368074:	0	0	0	1
XLOC_024099	FAM127C	chrX:134154533-13415656:	0	0	0	1
XLOC_024100	FAM127B	chrX:134184962-13418622:	0	0	0	1
XLOC_024101	LINC00087	chrX:134229014-13423273:	0	0	0	1
XLOC_024102	LINC00633	chrX:134252881-13425440:	0	0	0	1
XLOC_024105	CT45A4	chrX:134928696-13493673:	0	0	0	1
XLOC_024107	CT45A6	chrX:134963214-13497124:	0	0	0	1
XLOC_024112	SNORD61	chrX:135951352-13596293:	0	0	0	1
XLOC_024113	GPR101	chrX:136112306-13611383:	0	0	0	1
XLOC_024114	LOC158696	chrX:137696891-13769979:	0	0	0	1
XLOC_024116	MIR504	chrX:137713733-13828718:	0	0	0	1
XLOC_024119	MIR505	chrX:139006306-13900639:	0	0	0	1
XLOC_024120	CXorf66	chrX:139037883-13904767:	0	0	0	1
XLOC_024121	SOX3	chrX:139585151-13958722:	0	0	0	1
XLOC_024122	CDR1	chrX:139865424-13986672:	0	0	0	1
XLOC_024123	MIR320D2	chrX:140008336-14000838:	0	0	0	1
XLOC_024124	LDLOC1	chrX:140269930-14027131:	0	0	0	1
XLOC_024125	SPANXC	chrX:140335595-14033664:	0	0	0	1
XLOC_024126	SPANXA2	chrX:140590842-14073806:	0	0	0	1
XLOC_024127	SPANXE	chrX:140785567-14078665:	0	0	0	1
XLOC_024128	MAGEC2	chrX:141290127-14129307:	0	0	0	1
XLOC_024129	SPANXN3	chrX:142596563-14260530:	0	0	0	1
XLOC_024130	SLITRK4	chrX:142710594-14272392:	0	0	0	1
XLOC_024131	SPANXN2	chrX:142795054-14280451:	0	0	0	1
XLOC_024132	MIR890	chrX:145075792-14507586:	0	0	0	1
XLOC_024133	MIR888	chrX:145076301-14507637:	0	0	0	1
XLOC_024134	MIR892A	chrX:145078186-14507826:	0	0	0	1
XLOC_024135	MIR892B	chrX:145078715-14507879:	0	0	0	1
XLOC_024136	MIR891B	chrX:145082570-14508264:	0	0	0	1
XLOC_024137	MIR891A	chrX:145109311-14510939:	0	0	0	1
XLOC_024138	CXorf51A	chrX:145895621-14589624:	0	0	0	1
XLOC_024139	MIR506	chrX:146312237-14631236:	0	0	0	1
XLOC_024140	MIR507	chrX:146312501-14631259:	0	0	0	1
XLOC_024141	MIR508	chrX:146318430-14631854:	0	0	0	1
XLOC_024142	MIR514B	chrX:146331668-14633174:	0	0	0	1
XLOC_024143	MIR509-1	chrX:146340277-14634036:	0	0	0	1

XLOC_024144	MIR509-3	chrX:146341169-14634124	0	0	0	1
XLOC_024145	MIR509-1	chrX:146342049-14634214	0	0	0	1
XLOC_024146	MIR510	chrX:146353852-146353921	0	0	0	1
XLOC_024147	MIR514A1	chrX:146360764-14636086	0	0	0	1
XLOC_024148	MIR514A2	chrX:146363460-14636354	0	0	0	1
XLOC_024149	MIR514A3	chrX:146366158-14636624	0	0	0	1
XLOC_024153	MAGEA9B	chrX:148663308-148669111	0	0	0	1
XLOC_024154	HSFX2	chrX:148674171-14867697	0	0	0	1
XLOC_024158	GABRE	chrX:151121595-15114315	0	0	0	1
XLOC_024159	MIR452	chrX:151121595-15114315	0	0	0	1
XLOC_024160	MAGEA10,MAGEA10-MAGEA10-1	chrX:151282520-151307051	0	0	0	1
XLOC_024161	GABRA3	chrX:151335633-15161983	0	0	0	1
XLOC_024162	MIR105-1	chrX:151335633-15161983	0	0	0	1
XLOC_024163	MIR767	chrX:151335633-15161983	0	0	0	1
XLOC_024164	MIR105-2	chrX:151335633-15161983	0	0	0	1
XLOC_024165	CSAG2,CSAG3	chrX:151876742-15187774	0	0	0	1
XLOC_024167	MAGEA2,MAGEA2B	chrX:151918387-15192236	0	0	0	1
XLOC_024168	MAGEA3	chrX:151934651-15193824	0	0	0	1
XLOC_024170	PNMA5	chrX:152157367-15216267	0	0	0	1
XLOC_024171	PNMA6D	chrX:152243995-152246071	0	0	0	1
XLOC_024172	MAGEA1	chrX:152481521-152486111	0	0	0	1
XLOC_024179	PDZD4	chrX:153067622-15309600	0	0	0	1
XLOC_024185	MIR3202-2	chrX:153237990-15324864	0	0	0	1
XLOC_024187	MIR718	chrX:153285370-15328544	0	0	0	1
XLOC_024189	TEX28	chrX:153485202-15352356	0	0	0	1
XLOC_024197	CTAG1A	chrX:153845864-15384752	0	0	0	1
XLOC_024199	CTAG2	chrX:153880245-15388185	0	0	0	1
XLOC_024201	MPP1	chrX:154006958-15403380	0	0	0	1
XLOC_024204	MIR1184-1	chrX:154064063-154250991	0	0	0	1
XLOC_024209	MIR1184-3	chrX:154611748-154613451	0	0	0	1
XLOC_024211	H2AFB3	chrX:154689079-154689591	0	0	0	1
XLOC_024214	LINC00685	chrY:231384-232054	0	0	0	1
XLOC_024215	SHOX	chrY:535078-570146	0	0	0	1
XLOC_024216	CSF2RA	chrY:1337692-1378828	0	0	0	1
XLOC_024217	MIR3690	chrY:1337692-1378828	0	0	0	1
XLOC_024218	IL3RA	chrY:1405508-1451582	0	0	0	1
XLOC_024219	ASMTL-AS1	chrY:1469423-1522655	0	0	0	1
XLOC_024220	AKAP17A,ASMT	chrY:1660485-1711974	0	0	0	1
XLOC_024221	CD99P1	chrY:2477305-2525270	0	0	0	1
XLOC_024222	CD99	chrY:2559227-2609350	0	0	0	1
XLOC_024223	XGPY2	chrY:2620336-2643037	0	0	0	1
XLOC_024224	RPS4Y1	chrY:2709622-2734997	0	0	0	1
XLOC_024225	ZFY	chrY:2803111-2850547	0	0	0	1
XLOC_024226	LINC00278	chrY:2871036-2970313	0	0	0	1
XLOC_024227	TGIF2LY	chrY:3447125-3448082	0	0	0	1
XLOC_024229	TSPY2	chrY:6114263-6117053	0	0	0	1
XLOC_024230	TTTY1B	chrY:6258441-6296485	0	0	0	1
XLOC_024231	TTTY21	chrY:6311474-6315118	0	0	0	1
XLOC_024232	TTTY7,TTTY7E	chrY:6317508-6325947	0	0	0	1
XLOC_024233	TBL1Y	chrY:6778726-6959724	0	0	0	1
XLOC_024234	PRKY	chrY:7142012-7249588	0	0	0	1
XLOC_024235	TTTY12	chrY:7672964-7678723	0	0	0	1
XLOC_024236	TTTY19	chrY:8572512-8573324	0	0	0	1
XLOC_024237	TSPY3,TSPY4,TSPY8	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024238	TSPY1	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024239	TTTY8B	chrY:9528708-9531308	0	0	0	1
XLOC_024240	TTTY2	chrY:9573894-9611928	0	0	0	1
XLOC_024241	TTTY22	chrY:9638761-9650854	0	0	0	1
XLOC_024242	TTTY23B	chrY:9748406-9749571	0	0	0	1
XLOC_024243	TTTY15	chrY:14774297-14804153	0	0	0	1
XLOC_024244	USP9Y	chrY:14813159-14972768	0	0	0	1
XLOC_024245	DDX3Y	chrY:15016018-15032390	0	0	0	1
XLOC_024246	TMSB4Y	chrY:15815446-15817902	0	0	0	1
XLOC_024247	VCY	chrY:16168097-16168838	0	0	0	1
XLOC_024248	NLGN4Y	chrY:16634487-16955848	0	0	0	1
XLOC_024249	FAM41AY1	chrY:19612837-19628622	0	0	0	1
XLOC_024250	CDY2A,CDY2B	chrY:20137666-20139627	0	0	0	1
XLOC_024251	XKRY	chrY:20297334-20298915	0	0	0	1
XLOC_024252	FAM224A,FAM224B	chrY:20488418-20492736	0	0	0	1
XLOC_024253	HSFY1,HSFY2	chrY:20708556-20752407	0	0	0	1
XLOC_024254	TTTY9A	chrY:20891767-20935621	0	0	0	1
XLOC_024255	TXLNG2P	chrY:21729243-21769056	0	0	0	1
XLOC_024256	EIF1AY	chrY:22737610-22755040	0	0	0	1
XLOC_024257	RPS4Y2	chrY:22917953-22942918	0	0	0	1
XLOC_024258	RBM1B	chrY:23673223-23687672	0	0	0	1
XLOC_024259	RBM1B	chrY:23696764-23711212	0	0	0	1
XLOC_024260	TTTY6,TTTY6E	chrY:24291111-24292981	0	0	0	1
XLOC_024261	RBM1YF,RBM1YJ	chrY:24455005-24564028	0	0	0	1
XLOC_024262	PRY2	chrY:24636543-24660784	0	0	0	1

XLOC_024263	TTTTY17C	chrY:24997730-24998862	0	0	0	1
XLOC_024264	TTTTY4	chrY:25082601-25119431	0	0	0	1
XLOC_024265	BPY2	chrY:25130409-25151610	0	0	0	1
XLOC_024266	DAZ2,DAZ3,DAZ4	chrY:25365580-25437503	0	0	0	1
XLOC_024267	TTTTY17C	chrY:26631478-26632610	0	0	0	1
XLOC_024268	TTTTY4	chrY:26716348-26753172	0	0	0	1
XLOC_024269	BPY2	chrY:26764150-26785352	0	0	0	1
XLOC_024270	DAZ2,DAZ3,DAZ4	chrY:26979966-27053187	0	0	0	1
XLOC_024271	GOLGA2P2Y	chrY:27601457-27606322	0	0	0	1
XLOC_024272	CSPG4P1Y	chrY:27629054-27632852	0	0	0	1
XLOC_024273	CDY1	chrY:27768263-27771048	0	0	0	1
XLOC_024274	TTTTY3	chrY:27874636-27879535	0	0	0	1
XLOC_024275	SPRY3	chrY:59100456-59115123	0	0	0	1
XLOC_024276	VAMP7	chrY:59213948-59276439	0	0	0	1
XLOC_024277	IL9R	chrY:59330251-59343488	0	0	0	1
XLOC_024278	GTPBP6	chrY:171425-180887	0	0	0	1
XLOC_024279	PPP2R3B	chrY:244667-297690	0	0	0	1
XLOC_024280	CRLF2	chrY:1264886-1281530	0	0	0	1
XLOC_024281	SLC25A6	chrY:1455044-1461039	0	0	0	1
XLOC_024282	ASMTL	chrY:1469423-1522655	0	0	0	1
XLOC_024283	P2RY8	chrY:1531465-1606037	0	0	0	1
XLOC_024284	DHRX,ZBED1	chrY:2087554-2369015	0	0	0	1
XLOC_024285	SRY	chrY:2654895-2655792	0	0	0	1
XLOC_024286	TTTTY23B	chrY:6110486-6111651	0	0	0	1
XLOC_024287	TTTTY2	chrY:6258441-6296485	0	0	0	1
XLOC_024288	TTTTY8B	chrY:6339071-6341671	0	0	0	1
XLOC_024289	AMELY	chrY:6733958-6742068	0	0	0	1
XLOC_024290	TTTTY1E	chrY:7567397-7569288	0	0	0	1
XLOC_024291	TTTTY1E	chrY:8551410-8551919	0	0	0	1
XLOC_024292	TTTTY11	chrY:8651358-8685423	0	0	0	1
XLOC_024293	RBMY1A3P	chrY:9154669-9160483	0	0	0	1
XLOC_024294	TTTTY20	chrY:9167488-9172441	0	0	0	1
XLOC_024295	FAM197Y5	chrY:9187188-9192791	0	0	0	1
XLOC_024296	FAM197Y5	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024297	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024298	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024299	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024300	RBMY3AP	chrY:9448329-9452762	0	0	0	1
XLOC_024301	TTTTY7,TTTTY7E	chrY:9544432-9552871	0	0	0	1
XLOC_024302	TTTTY21	chrY:9555261-9558905	0	0	0	1
XLOC_024303	TTTTY1B	chrY:9573894-9611928	0	0	0	1
XLOC_024306	VCY	chrY:16097651-16098392	0	0	0	1
XLOC_024307	NLGN4Y-AS1	chrY:16634487-16955848	0	0	0	1
XLOC_024308	FAM224A,FAM224B	chrY:19687040-19691353	0	0	0	1
XLOC_024309	XKRY2	chrY:19880859-19882440	0	0	0	1
XLOC_024310	CDY2A,CDY2B	chrY:19990139-19992100	0	0	0	1
XLOC_024311	FAM41AY2	chrY:20551155-20566932	0	0	0	1
XLOC_024312	TTTTY9B	chrY:20708556-20752407	0	0	0	1
XLOC_024313	HSFY1,HSFY2	chrY:20891767-20935621	0	0	0	1
XLOC_024314	NCRNA00185	chrY:21034386-21040114	0	0	0	1
XLOC_024315	TTTTY14	chrY:21094584-21239302	0	0	0	1
XLOC_024317	BCORP1	chrY:21617316-21665039	0	0	0	1
XLOC_024318	KDM5D	chrY:21867300-21906825	0	0	0	1
XLOC_024319	TTTTY10	chrY:22627553-22681114	0	0	0	1
XLOC_024320	RBMY2EP	chrY:23557033-23563448	0	0	0	1
XLOC_024321	TTTTY13	chrY:23745485-23756552	0	0	0	1
XLOC_024322	RBMY1B	chrY:24026222-24040673	0	0	0	1
XLOC_024323	RBMY1B	chrY:24049764-24064214	0	0	0	1
XLOC_024324	PRY	chrY:24217902-24242154	0	0	0	1
XLOC_024325	RBMY1J	chrY:24314688-24329089	0	0	0	1
XLOC_024326	TTTTY5	chrY:24442944-24445023	0	0	0	1
XLOC_024327	TTTTY6,TTTTY6E	chrY:24585736-24587606	0	0	0	1
XLOC_024328	DAZ1,DAZ4	chrY:25275501-25345254	0	0	0	1
XLOC_024329	TTTTY3B	chrY:26082873-26087769	0	0	0	1
XLOC_024330	CDY1	chrY:26191376-26194161	0	0	0	1
XLOC_024331	CSPG4P1Y	chrY:26329580-26333378	0	0	0	1
XLOC_024332	GOLGA2P2Y	chrY:26356113-26360978	0	0	0	1
XLOC_024333	DAZ3,DAZ4	chrY:26909215-26959639	0	0	0	1
XLOC_024334	BPY2C	chrY:27177049-27198251	0	0	0	1
XLOC_024335	TTTTY4B	chrY:27209229-27246039	0	0	0	1
XLOC_024336	TTTTY17B	chrY:27329789-27330920	0	0	0	1
XLOC_021057	HUS1	chr7:48002884-48019222	5.59004	5.5901	1.46E-05	1
XLOC_016439	METAP1	chr4:99916787-99983960	30.0958	30.0961	1.51E-05	0.999929
XLOC_008478	ARHGAP17	chr16:24930711-25026675	10.0953	10.0954	1.73E-05	1
XLOC_010118	VAPA	chr18:9913954-9960018	15.7913	15.7915	1.81E-05	1
XLOC_002623	ZDHHC16	chr10:99205929-99217127	26.7389	26.7393	2.43E-05	1
XLOC_004974	CAND1	chr12:67663060-67708388	15.7665	15.767	4.27E-05	0.999987
XLOC_015664	FYCO1	chr3:45959390-46037316	2.7764	2.77665	0.000126963	0.999427
XLOC_015688	SHISA5	chr3:48509196-48542259	99.5559	99.5701	0.000206563	0.999907

XLOC_000057	ZBTB48	chr1:6640062-6649340	10.2109	10.2126	0.000234076	0.999427
XLOC_008255	HSBP1	chr16:83841507-83846607	57.2146	57.225	0.00026372	0.999929
XLOC_007467	HERC2	chr15:28356182-28567298	2.6925	2.69304	0.000292102	0.999591
XLOC_022248	C8orf82,LRRC24	chr8:145743348-145754451	88.1693	88.1944	0.000410535	0.999567
XLOC_002555	CCSER2	chr10:86088409-86278276	1.61583	1.61633	0.000452148	0.999427
XLOC_006386	SLC38A6	chr14:61447831-61550451	4.10062	4.10204	0.000499849	0.999427
XLOC_009297	SPHK1	chr17:74380689-74383941	221.854	221.937	0.000544742	0.999427
XLOC_005598	E2F7	chr12:77415025-77459360	3.24852	3.24977	0.000557058	0.999427
XLOC_008092	LONP2	chr16:48274602-48420559	13.3411	13.3462	0.000560495	0.999427
XLOC_007587	MYO5A	chr15:52599479-52821247	2.07481	2.07569	0.000606845	0.999427
XLOC_015721	IP6K1	chr3:49761727-49823973	8.75737	8.76134	0.000653606	0.999427
XLOC_020651	AGFG2	chr7:100136833-100165841	1.7903	1.79113	0.000670976	0.99926
XLOC_014938	IL17RC	chr3:9958757-9975305	16.4072	16.4151	0.00068662	0.999427
XLOC_021192	FAM200A	chr7:99143922-99149757	3.44759	3.44927	0.000702833	0.999427
XLOC_020860	NOS3	chr7:150688143-150721581	7.97075	7.97494	0.000759475	0.999427
XLOC_011755	RTN2	chr19:45988545-46000313	15.5884	15.5967	0.00076803	0.999427
XLOC_006630	PPP2R5C	chr14:102228134-10239431	34.9333	34.9524	0.000791879	0.999427
XLOC_011956	PPP1R12C	chr19:55602280-55628968	19.715	19.7261	0.000815621	0.999427
XLOC_015890	COX17	chr3:119388371-119396241	108.607	108.669	0.000827776	0.999427
XLOC_014661	CECR5	chr22:17618409-17646335	112.002	112.076	0.000946506	0.999427
XLOC_011513	MED26	chr19:16685717-16739015	6.02359	6.02776	0.000977777	0.999427
XLOC_023112	ASB6	chr9:132388434-132404441	39.8372	39.8653	0.00101842	0.999427
XLOC_023834	ELK1	chrX:47494918-47510003	30.114	30.1359	0.00104833	0.999427
XLOC_005803	IFT88	chr13:21141207-21265576	0.835569	0.836209	0.00110525	0.999427
XLOC_002876	KIF5B	chr10:32297937-32345371	13.112	13.1221	0.00111198	0.999427
XLOC_001571	PPAP2B	chr1:56960418-57045257	0.410163	0.41048	0.00111435	0.997323
XLOC_000350	KIF2C	chr1:45205489-45233438	32.6219	32.6489	0.00119456	0.999427
XLOC_008321	WDR24	chr16:734701-740400	7.16495	7.1709	0.00119735	0.999427
XLOC_014139	C21orf119	chr21:33765441-33766266	6.76164	6.76733	0.00121317	0.99862
XLOC_011079	PPP2R1A	chr19:52693054-52729678	199.302	199.488	0.00134587	0.99926
XLOC_021782	ZNFD23	chr8:144718182-144735900	4.64785	4.65222	0.00135408	0.99926
XLOC_008839	CNTR0B	chr17:7835441-7853237	13.5207	13.5342	0.0014436	0.999108
XLOC_009218	TLK2	chr17:60556385-60692841	4.21954	4.22378	0.00144834	0.99926
XLOC_008647	NOB1	chr16:69775756-69788871	127.184	127.316	0.00149059	0.998951
XLOC_017014	DCTD	chr4:183811243-183838631	58.1145	58.1761	0.00152748	0.998959
XLOC_018392	DOPEY1	chr6:83777384-83906256	0.28796	0.288278	0.00159071	1
XLOC_007816	ITFG3	chr16:284800-316119	22.4662	22.492	0.00165897	0.999214
XLOC_007286	ARIH1	chr15:72766666-72878896	9.03964	9.05043	0.00172143	0.998945
XLOC_015588	FGD5-AS1	chr3:14984285-15106816	11.0215	11.0348	0.0017439	0.99926
XLOC_001070	FBX028	chr1:224301788-224349741	6.20678	6.21475	0.00185151	0.998764
XLOC_009854	COX11	chr17:52978051-53046064	21.4081	21.4356	0.00185167	0.998951
XLOC_017268	DCP2	chr5:112312406-112824521	1.98256	1.98515	0.00187648	0.998945
XLOC_023463	NONO	chrX:70430034-70948962	158.98	159.19	0.00190753	0.998975
XLOC_017177	BDP1	chr5:70751441-70863649	0.896001	0.89722	0.00196123	0.998644
XLOC_002724	BAG3	chr10:121410881-12143731	28.412	28.4514	0.00200079	0.99862
XLOC_000969	IPO9	chr1:201798287-201853421	5.32049	5.32795	0.00202166	0.99862
XLOC_014040	AURKA	chr20:54944444-54967351	24.5216	24.5562	0.00203102	0.99862
XLOC_009307	SEC14L1	chr17:75084724-75213181	13.9009	13.9205	0.00203906	0.998831
XLOC_010670	MYO9B	chr19:17186590-17324104	12.6745	12.6927	0.00206939	0.99862
XLOC_008767	EMC6	chr17:3539761-3599698	148.857	149.071	0.00207588	0.999416
XLOC_004641	CCDC77	chr12:389222-551806	2.92583	2.93021	0.00215823	0.999427
XLOC_015098	P4HTM	chr3:49027340-49044581	15.396	15.4194	0.00219686	0.99862
XLOC_006888	ENTPD5	chr14:74433180-74486026	0.373034	0.373627	0.00229126	0.997082
XLOC_023020	CDC26	chr9:116029289-116037861	61.6742	61.7725	0.00229737	0.998564
XLOC_008060	RNF40	chr16:30759619-30787628	16.0611	16.0868	0.00230633	0.998764
XLOC_016688	DNAAF16	chr4:17802277-17812381	9.32226	9.33747	0.00235235	0.99862
XLOC_007965	TMC7	chr16:1895255-19075262	1.08123	1.08303	0.00240582	0.998823
XLOC_023804	TAB3	chrX:30845558-30907511	1.90958	1.91277	0.00241082	0.998764
XLOC_001098	URB2	chr1:229761980-229795941	2.65118	2.65577	0.00249459	0.99862
XLOC_005208	ZNFD140	chr12:133657036-13368421	7.14311	7.15555	0.00250977	0.99862
XLOC_018962	COX7A2	chr6:75947390-75953644	299.608	300.131	0.00251356	0.998564
XLOC_001383	MAP3K6	chr1:27681669-27693337	2.40931	2.41354	0.00253055	0.999041
XLOC_002319	PFKP	chr10:3109711-3178997	84.0537	84.2035	0.0025675	0.998564
XLOC_013153	FAM168B	chr2:131805448-131851001	10.29	10.3095	0.00272671	0.998558
XLOC_010692	MAST3	chr19:18208602-18262499	3.36164	3.36811	0.00276982	0.998564
XLOC_000265	HPCA	chr1:33352097-33366953	0.147727	0.148014	0.00280056	1
XLOC_006764	SNX6	chr14:35030617-35099366	23.8932	23.9402	0.00283903	0.998526
XLOC_021030	MRPS24,URGCP,URGCP-IV	chr7:43906156-43965996	302.096	302.705	0.00290308	0.998526
XLOC_000334	CDC20	chr1:43824625-43828873	133.594	133.867	0.00294567	0.998526
XLOC_001768	POLR3C	chr1:145592604-145610881	15.4144	15.446	0.00295131	0.998526
XLOC_010163	DSG2	chr18:29078026-29136874	10.5163	10.5378	0.00295233	0.998526
XLOC_017865	ARAP3	chr5:141032967-141061800	6.47237	6.48578	0.00298545	0.998526
XLOC_013115	RPL23AP7	chr2:114368815-114384711	8.96658	8.98525	0.00299988	0.998839
XLOC_018996	LYRM2	chr6:90142896-90348474	3.97137	3.97968	0.00301753	0.998564
XLOC_007675	ADPGK	chr15:73043707-73090540	19.1509	19.1913	0.00304069	0.998514
XLOC_018526	HECA	chr6:139456248-139501941	4.5662	4.57613	0.00313617	0.998526
XLOC_017296	PRRC1	chr5:126853308-126890781	6.9573	6.97269	0.00318758	0.998526
XLOC_022602	PPP2R4	chr9:131873227-131911221	167.957	168.33	0.00319475	0.998514
XLOC_017160	PIK3R1	chr5:67511583-67597649	0.99024	0.992462	0.00323296	0.998558

XLOC_001861	GATAD2B	chr1:153777202-15389545	5.76596	5.77903	0.0032662	0.998526
XLOC_000361	TOE1	chr1:45794913-45956840	10.6856	10.7101	0.00330252	0.998564
XLOC_015467	LOC100505687	chr3:183165395-183173800	3.90311	3.91217	0.00334422	0.998564
XLOC_015657	ZDHHC3	chr3:44956752-45017674	2.99704	3.00406	0.00337442	0.998526
XLOC_022065	SNX16	chr8:82711817-82754521	2.89637	2.90319	0.00339642	0.998526
XLOC_011499	AKAP8	chr19:15464331-15490612	10.88	10.9061	0.00345468	0.998514
XLOC_000291	CDC48	chr1:38158072-38175391	33.498	33.5806	0.00355061	0.998514
XLOC_005978	BIVM,BIVM-ERCC5,ERCC5	chr13:103436630-10352838	16.4781	16.519	0.00357971	0.998441
XLOC_022242	SLC39A4	chr8:145637797-145642273	40.532	40.6331	0.00359297	0.998514
XLOC_015715	RHOA	chr3:49396578-49449526	269.243	269.927	0.0036588	0.998152
XLOC_008104	FTO	chr16:53737874-54148379	1.74026	1.7447	0.00367347	0.998514
XLOC_012129	BIRC6	chr2:32582095-32843965	1.88985	1.89482	0.00378738	0.998514
XLOC_016031	CCNL1	chr3:156865585-156878482	22.3514	22.4106	0.0038145	0.997535
XLOC_013713	RNF114	chr20:48552913-48570422	32.5386	32.6279	0.00395353	0.997892
XLOC_018457	NT5DC1	chr6:116421998-116566853	9.42904	9.45551	0.00404366	0.997892
XLOC_002846	DNAJC1	chr10:22045476-22292650	7.7929	7.81479	0.00404706	0.99835
XLOC_009666	MIEN1	chr17:37885408-37886788	103.753	104.051	0.00413252	0.997532
XLOC_000405	LRRC42	chr1:54411998-54433841	28.3691	28.4506	0.00414006	0.997535
XLOC_007858	NUBP2	chr16:1832932-1839192	98.2177	98.5005	0.00414712	0.997532
XLOC_020923	CYTH3	chr7:6201411-6312242	4.54463	4.55783	0.0041843	0.997892
XLOC_007139	LOC100131089	chr15:40331511-40359710	3.23259	3.24198	0.00418528	0.99862
XLOC_024186	IRAK1	chrX:153275956-153285343	141.146	141.558	0.00420828	0.997342
XLOC_017493	MSX2	chr5:174151574-174157902	2.21091	2.21739	0.00422109	0.99862
XLOC_012045	GRHL1	chr2:10091791-10142412	1.0109	1.0139	0.00427269	0.99862
XLOC_001767	NUDT17	chr1:145575987-145589433	1.59791	1.60265	0.00427546	0.998668
XLOC_000857	POU2F1	chr1:167190065-167396582	0.868613	0.871216	0.00431658	0.998227
XLOC_001268	MTHFR	chr1:11845786-11907840	0.940575	0.943394	0.00431699	0.99862
XLOC_011063	SIGLEC9	chr19:51628136-51639520	0.0644356	0.0646287	0.00431761	1
XLOC_014861	TCF20	chr22:42556018-42611445	4.44859	4.46204	0.00435561	0.997535
XLOC_014857	NAGA	chr22:42454337-42466846	12.3961	12.4338	0.00437691	0.997532
XLOC_013766	MRGBP	chr20:61427804-61431945	40.0059	40.1274	0.00437762	0.997535
XLOC_006645	APOPT1	chr14:104029298-10405723	24.821	24.8974	0.00443348	0.99761
XLOC_016585	NEIL3	chr4:178230990-178284092	1.64591	1.65108	0.00451661	0.99862
XLOC_022920	SEMA4D	chr9:91975705-92094611	7.94229	7.96724	0.0045242	0.997342
XLOC_003990	RHOG	chr11:3848207-3862213	62.2744	62.4717	0.0045639	0.997535
XLOC_012829	HADHA	chr2:26413503-26467594	94.465	94.7684	0.00462611	0.99714
XLOC_007011	CYFIP1	chr15:22892683-23003603	43.0282	43.1669	0.00464412	0.99714
XLOC_023341	KDM6A	chrX:44732422-44971845	2.30612	2.31359	0.00466403	0.997892
XLOC_022235	BOP1	chr8:145486055-145515120	70.0093	70.2377	0.00469858	0.997342
XLOC_004673	TAPBP1	chr12:6561176-6579843	1.78216	1.78804	0.00475488	0.998668
XLOC_013467	THAP4	chr2:242523819-242576723	87.1288	87.4186	0.00479068	0.997916
XLOC_016842	PPM1K	chr4:89178760-89205983	2.3772	2.38524	0.00487143	0.997532
XLOC_003348	NUCB2	chr11:17298285-17353070	11.6398	11.6794	0.00489455	0.997309
XLOC_009091	NBR1	chr17:41322497-41363707	21.4779	21.551	0.00490291	0.997323
XLOC_009405	P2RX5,TAX1BP3	chr17:3539761-3599698	95.0563	95.3809	0.00491842	0.998342
XLOC_003300	TIMM10B	chr11:6495912-6505911	8.84955	8.88013	0.00497695	0.998514
XLOC_021791	CYC1	chr8:145149959-145152428	226.727	227.518	0.00502105	0.997342
XLOC_016638	ZFYVE28	chr4:2271323-2420370	5.00559	5.0231	0.00503608	0.998152
XLOC_003879	C11orf63	chr11:122753472-12283043	0.538841	0.540747	0.00509393	0.998564
XLOC_006883	NUMB	chr14:73741917-73925286	10.7583	10.7973	0.00521286	0.99714
XLOC_008364	ABC3L	chr16:2325878-2390747	12.5964	12.6422	0.00523583	0.99714
XLOC_014571	SMCR7L	chr22:39898283-39914137	9.84512	9.88112	0.00526528	0.99714
XLOC_009424	CAMTA2	chr17:4871286-4890960	18.8819	18.9513	0.00529019	0.99714
XLOC_008308	AFG3L1P	chr16:90036182-90067195	4.51132	4.52802	0.00533236	0.998342
XLOC_007015	GOLGA8S	chr15:23599894-23613471	0.35151	0.352813	0.00533832	0.998514
XLOC_012015	MZF1	chr19:59070552-59086164	12.0569	12.1018	0.00536016	0.997342
XLOC_004687	DSTNP2	chr12:6993845-6994950	3.44476	3.45771	0.00541059	0.99862
XLOC_021264	THAP5	chr7:108202670-108210167	5.41932	5.43994	0.00547978	0.99714
XLOC_019068	HDCC2	chr6:125596495-125623282	38.613	38.7618	0.00554681	0.99714
XLOC_018252	ANKS1A	chr6:34857037-35059190	4.14187	4.15834	0.00572664	0.99714
XLOC_015510	FLJ42393	chr3:187868993-188608460	0.0581703	0.0584037	0.00577696	1
XLOC_023143	BRD3	chr9:136890560-136933143	7.78531	7.81665	0.00579726	0.99714
XLOC_012845	FTTHP3	chr2:27604065-27632550	0.21943	0.22032	0.00583989	1
XLOC_008333	UNKL	chr16:1401899-1464705	4.14326	4.16012	0.00585857	0.998564
XLOC_010287	PPP4R1	chr18:9546788-9614605	9.09747	9.13512	0.00595852	0.997082
XLOC_020442	SEPT7	chr7:35840595-35946715	19.3969	19.4772	0.00596327	0.997082
XLOC_010959	CALM3	chr19:47104511-47114039	82.1509	82.4942	0.00601561	0.99714
XLOC_001213	TMEM52	chr1:1849028-1850740	41.7588	41.9333	0.00601849	0.99714
XLOC_009641	SYNRG	chr17:35874899-35969486	3.06879	3.08168	0.00604694	0.99714
XLOC_014785	C22orf28	chr22:32783561-32808274	50.9672	51.1829	0.00609038	0.997082
XLOC_004525	FDXACB1	chr11:111744779-11175473	1.59829	1.60511	0.00613815	0.998526
XLOC_008270	COX4I1	chr16:85833172-85840607	486.094	488.176	0.00616365	0.99714
XLOC_001069	CAPN2	chr1:223889294-223963720	146.353	146.98	0.00616925	0.997082
XLOC_018603	C6orf120	chr6:170102256-170124106	6.57773	6.60607	0.00620291	0.998433
XLOC_009070	NAGLU	chr17:40687950-40696466	19.6424	19.7287	0.0063288	0.99714
XLOC_003813	SIK2	chr11:111473169-11163716	1.78461	1.79262	0.00645949	0.998514
XLOC_008687	KARS	chr16:75661621-75681585	76.9744	77.3206	0.00647375	0.997082
XLOC_011286	FAM108A1	chr19:1876974-1885518	105.853	106.337	0.00658248	0.997036
XLOC_000821	UFC1	chr1:161123533-161128648	97.1014	97.5471	0.00660717	0.997082

XLOC_010110	RAB12	chr18:8609442-8639380	12.412	12.469	0.00661595	0.997082
XLOC_020922	EIF2AK1	chr7:6048881-6098860	29.7792	29.918	0.00670598	0.997082
XLOC_006135	INTS6	chr13:51915167-52027275	1.87437	1.88317	0.00676185	0.997342
XLOC_010217	MALT1	chr18:56338617-56417370	4.88168	4.90472	0.00679108	0.997082
XLOC_015585	CHCHD4	chr3:14153576-14166371	16.5545	16.6331	0.00683517	0.997036
XLOC_017486	SNORA74B	chr5:172410762-172461900	1.93888	1.94814	0.00686922	0.993379
XLOC_012579	SGOL2	chr2:201390864-201448818	2.25697	2.26775	0.00687209	0.99714
XLOC_003447	PTPRJ	chr11:48002109-48192394	3.92653	3.94529	0.00687574	0.99714
XLOC_015325	COPG1	chr3:128968452-128996618	38.788	38.9733	0.00687783	0.997036
XLOC_004273	NXF1	chr11:62559597-62572964	25.9776	26.1021	0.00689288	0.997036
XLOC_008529	BCL7C	chr16:30899115-30905399	107.197	107.711	0.00689708	0.997036
XLOC_009848	ANKRD40	chr17:48770550-48785270	10.0713	10.1196	0.00690573	0.997036
XLOC_014569	TAB1	chr22:39795758-39833133	13.0637	13.1264	0.00690733	0.997082
XLOC_009574	SGK494	chr17:26926150-26972177	0.598505	0.601386	0.00692691	0.89239
XLOC_000179	LYPLA2	chr1:24117645-24122029	97.1366	97.6099	0.00701325	0.997036
XLOC_018416	MANEA	chr6:96025372-96057328	1.37715	1.38393	0.00709174	0.99714
XLOC_015947	TMCC1	chr3:129366634-129612418	1.00158	1.00663	0.00725568	0.99714
XLOC_001683	SLC25A24	chr1:108677343-108742980	4.7289	4.75281	0.00727475	0.997082
XLOC_015841	DCBLD2	chr3:98514813-98620533	2.96662	2.98171	0.00731554	0.997036
XLOC_009903	SMARCD2	chr17:61909440-61920351	42.7876	43.0052	0.00731824	0.997036
XLOC_004889	HNRNPA1	chr12:54674487-54679030	754.618	758.456	0.00731903	0.997036
XLOC_009379	PRPF8	chr17:1553922-1588176	38.2654	38.4601	0.00732	0.997036
XLOC_013656	FAM83D	chr20:37554954-37581703	16.7754	16.8609	0.00733764	0.997036
XLOC_017997	MGAT4B	chr5:179224597-179285840	103.667	104.197	0.00735552	0.998514
XLOC_006801	L2HGDH	chr14:50709151-50778947	3.00665	3.02219	0.00743651	0.997036
XLOC_000406	TCEANC2	chr1:54519273-54565416	0.907522	0.912222	0.00745265	0.99714
XLOC_015412	GMPS	chr3:155588324-155655520	44.685	44.9187	0.00752529	0.997036
XLOC_018137	ZSCAN12P1	chr6:28058584-28063493	0.775197	0.779271	0.00756149	0.99714
XLOC_014798	EIF3D	chr22:36906896-36925277	209.328	210.437	0.00762516	0.997036
XLOC_006943	MOAP1	chr14:93648540-93651249	17.1444	17.2355	0.00764378	0.997036
XLOC_002993	MRPS16	chr10:75007124-75118617	36.61	36.8051	0.00766544	0.997036
XLOC_007406	FURIN	chr15:91411884-91426687	21.891	22.0081	0.00769351	0.997036
XLOC_005893	CDADC1	chr13:49822046-49867622	2.13111	2.14253	0.00771025	0.99714
XLOC_0021333	MTPN	chr7:135611502-135662200	32.9957	33.1741	0.00777974	0.997036
XLOC_005651	ARL1	chr12:101786902-10180157	14.6122	14.6912	0.0077807	0.997036
XLOC_013167	LCT	chr2:136545414-136594750	0.0214019	0.0215177	0.00778437	1
XLOC_018751	CCHCR1	chr6:31110215-31126015	9.39115	9.44219	0.00782006	0.997036
XLOC_020340	ELFN1	chr7:1748797-1787590	1.86798	1.87818	0.00785925	0.997082
XLOC_018530	VTA1	chr6:142468409-142542085	7.10178	7.14123	0.00799184	0.997036
XLOC_024068	ZDHHC9	chrX:128937263-128977911	14.4401	14.5204	0.00799905	0.997036
XLOC_006382	PCNXL4	chr14:60558628-60601532	11.2265	11.2893	0.00804877	0.997036
XLOC_023016	ZNF883	chr9:115759399-115774472	7.5123	7.55434	0.00805062	0.997036
XLOC_003739	TMEM126B	chr11:85339616-85347583	38.8126	39.0306	0.00808026	0.997036
XLOC_020943	ANKMY2	chr7:16639400-16685442	6.3113	6.34681	0.00809318	0.997036
XLOC_003503	CNTF,ZFP91	chr11:58346586-58393205	6.67657	6.71416	0.0080988	0.997036
XLOC_002119	ADIPOR1	chr1:202909959-202927700	51.5695	51.8618	0.00815272	0.997036
XLOC_018580	WTAP	chr6:160148029-160177352	36.2615	36.4673	0.00816663	0.997036
XLOC_003124	SH3PXD2A	chr10:105353783-10561518	1.20777	1.21463	0.0081759	0.997036
XLOC_006449	YLPMP1	chr14:75230068-75304013	2.87138	2.88774	0.0082005	0.997036
XLOC_0021532	FZD3	chr8:28351721-28431785	1.35363	1.36137	0.00822785	0.997036
XLOC_017532	SQSTM1	chr5:179224597-179285840	211.958	213.17	0.0082286	0.997036
XLOC_018240	B3GALT4	chr6:33244916-33246602	0.25657	0.258045	0.00827051	1
XLOC_005661	NT5DC3	chr12:104166080-10423497	2.50372	2.51815	0.00829028	0.997036
XLOC_015621	OSBPL10	chr3:31702316-32033228	8.09062	8.13747	0.00833011	0.997036
XLOC_022895	GNAQ	chr9:80335190-80646219	0.884472	0.889601	0.00834267	0.998514
XLOC_005624	BTG1,LOC256021	chr12:92378751-92539673	16.3267	16.4215	0.00835553	0.997036
XLOC_021799	HSF1	chr8:145515269-145550567	132.726	133.498	0.0083648	0.997036
XLOC_015360	CLDN18	chr3:137717657-137752490	0.0400641	0.0402983	0.00841122	1
XLOC_002016	KIFAP3	chr1:169890469-170043878	1.81809	1.82879	0.00845864	0.997082
XLOC_008596	CSNK2A2	chr16:58191811-58231782	47.3672	47.6462	0.00847191	0.997036
XLOC_018895	NFKBIE	chr6:44225902-44233525	12.3469	12.4208	0.00861137	0.997036
XLOC_010594	LPPR2	chr19:11466061-11476374	17.7044	17.8107	0.00863385	0.997036
XLOC_004695	EMG1	chr12:7079943-7085165	34.622	34.8312	0.00869293	0.997036
XLOC_017672	SMIM15	chr5:60453535-60458302	13.9745	14.0597	0.00877351	0.997036
XLOC_003010	COMTD1	chr10:76993728-76995770	49.7346	50.0381	0.00877584	0.997036
XLOC_010206	C18orf54	chr18:51885170-51908404	1.23141	1.23893	0.00877868	0.997036
XLOC_017440	MRPL22	chr5:154320632-154348970	13.124	13.2043	0.0088044	0.997036
XLOC_013854	TMX4	chr20:7961715-8000393	6.63674	6.67758	0.00885115	0.997036
XLOC_006345	ARF6	chr14:50359735-50363772	19.4668	19.589	0.0090241	0.997036
XLOC_019022	BEND3	chr6:107386384-107435638	1.25792	1.26583	0.00903522	0.997036
XLOC_020368	C1GALT1	chr7:7222245-7288280	3.87224	3.89673	0.00909556	0.997036
XLOC_008095	CNEP1R1	chr16:50059188-50070999	5.66155	5.69741	0.00910838	0.997036
XLOC_018749	CDSN	chr6:31082607-31107869	0.101717	0.102362	0.00911231	1
XLOC_020898	MICALL2	chr7:1473994-1499109	2.16096	2.17467	0.00912452	0.99714
XLOC_016461	OSTC	chr4:109571740-109588978	75.752	76.2337	0.00914494	0.997036
XLOC_001815	RFX5	chr1:151313115-151319768	14.3233	14.4147	0.00917543	0.997036
XLOC_012849	SUPT7L	chr2:27848505-27917847	9.78222	9.84475	0.0091927	0.99714
XLOC_012235	ZNF638	chr2:71558884-71662191	4.74413	4.77453	0.00921637	0.997036
XLOC_016673	RAB28	chr4:13369346-13485989	9.95559	10.0196	0.00924988	0.997036

XLOC_012365	CCDC138	chr2:109403218-109492847	0.889918	0.895666	0.00928933	0.997342
XLOC_001302	NBPF1	chr1:16890411-16939982	0.987937	0.994334	0.00931157	0.99714
XLOC_016961	PET112	chr4:152591808-152682171	13.9141	14.0045	0.00934726	0.997036
XLOC_023554	MID2	chrX:107069083-10717486	1.24363	1.25172	0.0093547	0.997036
XLOC_002383	KIAA1217	chr10:23983674-24836772	2.2757	2.29061	0.00942379	0.997036
XLOC_000432	DLEU2L	chr1:63989012-64038364	0.199718	0.201029	0.009439	1
XLOC_000164	CDC42	chr1:22379119-22419436	79.9509	80.477	0.00946215	0.997036
XLOC_018409	PM20D2	chr6:89855768-89875288	9.55446	9.61742	0.00947525	0.997036
XLOC_015314	PODXL2	chr3:127348001-127391653	50.3858	50.7179	0.00947994	0.997036
XLOC_006754	STRN3	chr14:31363004-31565656	4.69572	4.72669	0.00948448	0.997036
XLOC_018606	FAM120B	chr6:170615843-170714237	3.16325	3.18412	0.00948644	0.997036
XLOC_010910	ZNF155	chr19:44488321-44502477	1.41919	1.42863	0.00956456	0.997036
XLOC_011350	MLLT1	chr19:6210391-6279959	27.6062	27.7901	0.00957971	0.997036
XLOC_014085	ZBTB46	chr20:62371210-62436856	1.85042	1.86281	0.00962816	0.998564
XLOC_006068	STAR13	chr13:33677271-34250932	1.34619	1.3553	0.00973064	0.997036
XLOC_002500	H2AFY2	chr10:71812356-71892690	17.4727	17.5916	0.0097785	0.997342
XLOC_011251	ZNF446	chr19:58987794-58992597	6.75767	6.80368	0.00979084	0.997036
XLOC_022565	ZBTB43	chr9:129567284-129600487	3.884	3.91051	0.00981345	0.997036
XLOC_017271	AP3S1	chr5:115177618-115249778	48.3445	48.6754	0.0098405	0.997036
XLOC_014878	KIAA1644	chr22:44639556-44708731	0.0323034	0.0325246	0.00984664	1
XLOC_022839	SLOC25A51	chr9:37877571-37904350	3.0626	3.08363	0.00987144	0.997082
XLOC_021304	PRRT4	chr7:127990378-128001733	11.1637	11.2406	0.00989637	0.997036
XLOC_002985	ASCC1	chr10:73855789-73995618	8.04204	8.09744	0.00990394	0.997535
XLOC_001957	PEX19	chr1:160246598-16025494	15.1656	15.2703	0.00992584	0.996453
XLOC_013683	DBNDD2.SYS1	chr20:43990576-44039250	214.243	215.727	0.00995682	0.997036
XLOC_017205	PDEBB	chr5:76506705-76724080	0.213343	0.214822	0.00996456	1
XLOC_004859	KRT7	chr12:52626953-52642709	3.0647	3.08597	0.00997835	0.997036
XLOC_019152	TRF1M	chr6:155411422-155635617	6.31845	6.36326	0.0101948	0.997036
XLOC_014996	STT3B	chr3:31574490-31677556	8.28429	8.34309	0.0102038	0.996811
XLOC_010879	CCDC97	chr19:41816093-41830788	16.8867	17.0075	0.0102797	0.99682
XLOC_010301	ROCK1	chr18:18529702-18691812	2.82059	2.84083	0.010317	0.997036
XLOC_001485	LOC100130557	chr1:41154751-41237275	0.550249	0.554209	0.0103447	0.99862
XLOC_014903	MAPK12	chr22:50691330-50700089	58.3512	58.7727	0.0103832	0.996453
XLOC_013265	CERKL	chr2:182321618-182521834	0.0259342	0.0261223	0.0104269	1
XLOC_012401	INSIG2	chr2:118846049-118867597	13.9234	14.0245	0.0104378	0.997036
XLOC_020653	PCOLCE	chr7:100183955-100205798	16.3564	16.4757	0.010481	0.997036
XLOC_018433	SOBP	chr6:107811316-107982513	0.532636	0.536528	0.0105041	0.997036
XLOC_021964	FGFR1	chr8:38268655-38326352	22.067	22.2289	0.0105479	0.996453
XLOC_014443	PP1L2	chr22:22020272-22090071	8.49035	8.55302	0.0106109	0.997036
XLOC_001603	ANKRD13C	chr1:70724684-70820417	1.83076	1.84429	0.0106226	0.997036
XLOC_022347	CLTA	chr9:36190852-36212059	270.426	272.425	0.0106238	0.996453
XLOC_015019	MYD88	chr3:38179968-38184512	13.6222	13.7229	0.0106276	0.996453
XLOC_015141	SMIM4	chr3:52570620-52574586	71.7046	72.2363	0.0106565	0.997036
XLOC_012215	PNO1	chr2:68385004-68403094	12.9828	13.0794	0.0106944	0.996453
XLOC_015561	TAD3	chr3:9821653-9878040	65.2559	65.7442	0.0107557	0.997036
XLOC_022623	POMT1	chr9:134378288-134406662	23.089	23.2629	0.0108242	0.99714
XLOC_008929	PYY2	chr17:26553588-26555085	1.04975	1.05774	0.0109393	0.997036
XLOC_020591	ADAM2	chr7:87563565-87832204	0.479543	0.483199	0.0109565	0.997036
XLOC_000595	CTTNBP2NL	chr1:112938799-113003786	4.52107	4.55563	0.010985	0.996453
XLOC_020337	MAFK	chr7:1570367-1596066	8.51598	8.58153	0.0110621	0.997036
XLOC_018485	NCOA7	chr6:126102306-126253178	3.66083	3.68917	0.0111228	0.996631
XLOC_008783	RNF167	chr17:4843629-4848517	55.4163	55.8492	0.0112252	0.996453
XLOC_000240	PTPRU	chr1:29563027-29653325	12.6091	12.7077	0.0112324	0.996079
XLOC_000094	VPS13D	chr1:12290112-12572098	0.818132	0.824528	0.0112355	0.996453
XLOC_011808	LMTK3	chr19:48988527-49016446	0.64125	0.646264	0.0112355	0.997535
XLOC_000690	PIP5K1A	chr1:151171020-151222007	25.9907	26.1942	0.0112537	0.996079
XLOC_004933	HSD17B6	chr12:57157107-57181574	0.528887	0.53305	0.0113113	0.997082
XLOC_013835	C20orf27	chr20:3734145-3749035	125.664	126.654	0.0113304	0.996079
XLOC_011413	S1PR2	chr19:10332108-10341948	5.61491	5.65935	0.0113745	0.997036
XLOC_023380	PLP2	chrX:49028183-49031468	460.175	463.823	0.011392	0.996453
XLOC_004309	EHD1	chr11:64620207-64646191	25.7912	25.9968	0.0114571	0.996173
XLOC_001902	UBQLN4	chr1:156005091-156023518	27.4598	27.6793	0.0114877	0.996079
XLOC_009739	KAT2A	chr17:40265128-40273382	36.4934	36.7857	0.011513	0.996242
XLOC_006380	JKAMP	chr14:59951160-60043549	15.0823	15.2041	0.0115986	0.99634
XLOC_016715	PDS5A	chr4:39824482-39979576	7.5193	7.58001	0.0116009	0.996079
XLOC_013295	SF3B1	chr2:198256697-198299771	32.6904	32.955	0.0116288	0.995957
XLOC_018889	YIPF3	chr6:43479564-43484728	74.7397	75.3449	0.0116351	0.995957
XLOC_006488	CALM1	chr14:90863326-90874619	39.7367	40.0584	0.011636	0.995957
XLOC_021234	POLR2J	chr7:102105389-102119387	116.584	117.528	0.0116377	0.997036
XLOC_003893	SPA1T	chr11:124492741-12456468	5.85855	5.90635	0.0117218	0.997892
XLOC_002956	RTKN2	chr10:63952952-64028466	0.208852	0.210561	0.0117562	1
XLOC_005440	BCDIN3D	chr12:50222325-50236912	2.24409	2.2625	0.0117839	0.997036
XLOC_012682	MFF	chr2:228192227-228222545	28.0726	28.3032	0.011805	0.995957
XLOC_010718	ZNF101	chr19:19779662-19791138	2.66797	2.69012	0.0119304	0.997036
XLOC_006495	GOLGA5	chr14:93260649-93306304	7.45567	7.51765	0.0119439	0.996087
XLOC_014989	OXSM	chr3:25831562-25836025	17.6611	17.8114	0.0122331	0.996453
XLOC_014955	CAND2	chr3:12838170-12876313	0.092149	0.0929408	0.012343	1
XLOC_012121	CLIP4	chr2:29338307-29406679	0.0173449	0.0174942	0.012361	1
XLOC_001424	BSDC1	chr1:32830704-32860062	18.7727	18.9343	0.0123618	0.995957

XLOC_021298	ZNF800	chr7:127010353-127032761	2.99252	3.01857	0.0125056	0.99634
XLOC_014664	ATP6V1E1	chr22:18074902-18111588	51.7327	52.184	0.01253	0.995957
XLOC_022615	ABL1	chr9:133589267-133763061	34.5966	34.8997	0.012585	0.995957
XLOC_017999	C5orf45	chr5:179224597-179285841	50.1485	50.5899	0.012644	0.998564
XLOC_009576	SDF2	chr17:26975373-26989207	20.8369	21.0203	0.0126444	0.996014
XLOC_009749	PLEKHH3	chr17:40819931-40829048	12.9768	13.0916	0.0127022	0.996165
XLOC_013269	NCKAP1	chr2:183789604-183903221	24.5709	24.7883	0.0127071	0.995302
XLOC_006379	DAAM1	chr14:59655380-59838123	0.533381	0.538101	0.0127108	0.997036
XLOC_013790	DNAJC5	chr20:62526454-62567384	13.3307	13.4489	0.0127373	0.995957
XLOC_023013	SUSD1	chr9:114758831-115112541	5.4007	5.44866	0.0127535	0.99714
XLOC_007163	MGA	chr15:41952609-42062141	1.10344	1.11326	0.0127809	0.996453
XLOC_002717	SLC18A2	chr10:119000583-11903891	1.12108	1.13106	0.0127818	0.997036
XLOC_021930	PBK	chr8:27667137-27695349	27.4669	27.7121	0.0128212	0.995874
XLOC_004344	MRPL11	chr11:66202549-66206310	40.8836	41.2486	0.0128224	0.995309
XLOC_024069	ELF4	chrX:129198894-129244681	8.70936	8.78727	0.0128483	0.995528
XLOC_005691	GLTP	chr12:110288747-11031821	38.0677	38.4104	0.0129291	0.995464
XLOC_023073	PPP6C	chr9:127908851-127952211	17.8667	18.0277	0.0129389	0.995464
XLOC_007535	LRRC57	chr15:42834719-42841002	3.97468	4.01102	0.0131306	0.996453
XLOC_005071	KIAA1033	chr12:105501491-10556291	2.17047	2.19035	0.0131544	0.996014
XLOC_013901	ABHD12	chr20:25228705-25371618	41.9699	42.3584	0.0132913	0.997036
XLOC_013116	SLC35F5	chr2:114471932-114514401	4.05205	4.08992	0.0134198	0.996014
XLOC_004643	WNK1	chr12:862088-1020618	3.42229	3.45438	0.0134635	0.995528
XLOC_022942	NINJ1	chr9:95883770-95896570	64.9128	65.5215	0.0134643	0.995302
XLOC_016937	SETD7	chr4:140427191-140477571	6.60143	6.66335	0.0134695	0.994978
XLOC_002240	FAM89A	chr1:231154703-231175991	24.9163	25.1513	0.0135447	0.995528
XLOC_023121	UCK1	chr9:134378288-134406661	43.9887	44.4047	0.0135787	0.997036
XLOC_008186	EDC4	chr16:67906925-67918417	15.6231	15.7716	0.0136558	0.995302
XLOC_023132	ABO	chr9:136130562-136150631	0.160467	0.161997	0.0136909	1
XLOC_017083	FAM105B	chr5:14664782-14699842	2.27509	2.2968	0.0136986	0.995957
XLOC_021221	EPHB4	chr7:100400186-100425141	34.6816	35.0128	0.0137137	0.994978
XLOC_016711	RFC1	chr4:39289068-39368001	8.2919	8.37171	0.0138211	0.995302
XLOC_021590	MRPL15	chr8:55047780-55061074	58.9767	59.5455	0.0138471	0.994615
XLOC_000645	RNF115	chr1:145611035-145688771	7.16772	7.237	0.0138775	0.996079
XLOC_016851	TSPAN5	chr4:99391517-99579812	3.64104	3.67628	0.0138931	0.996079
XLOC_014159	CBR1	chr21:37441939-37498938	48.1137	48.5798	0.0139075	0.994615
XLOC_006327	PAX9	chr14:37126772-37147011	1.69166	1.70822	0.0140574	0.997036
XLOC_001598	WLS	chr1:68167148-68698284	38.3228	38.6989	0.0140874	0.997036
XLOC_011487	NDUFB7	chr19:14676889-14682889	259.064	261.608	0.0140989	0.994728
XLOC_0021522	PPP2R2A	chr8:26149006-26230195	18.2358	18.4157	0.0141573	0.994615
XLOC_023160	LHX3	chr9:139088095-139096951	0.396242	0.400158	0.0141893	0.996631
XLOC_018744	MDC1	chr6:30667583-30685458	4.6699	4.71606	0.014191	0.995302
XLOC_023767	FIGF_PIR	chrX:15363712-15511711	0.750027	0.757448	0.0142054	0.997036
XLOC_005795	CHFR	chr12:133416937-13346421	0.304329	0.30735	0.0142466	1
XLOC_006737	TGM1	chr14:24718319-24732416	0.315401	0.318545	0.0143091	1
XLOC_008481	NSMCE1	chr16:27236314-27301789	74.6526	75.3979	0.0143301	0.994615
XLOC_016927	MFSD8	chr4:128838959-128952451	1.16505	1.17674	0.0144122	0.996631
XLOC_006744	SDR39U1	chr14:24899140-24912007	52.7764	53.3144	0.01463	0.997036
XLOC_006787	MIS18BP1	chr14:45672392-45722605	2.63722	2.66424	0.0147068	0.995528
XLOC_014924	EDEM1	chr3:5229358-5261650	10.3015	10.4071	0.0147073	0.994615
XLOC_006193	DOCK9	chr13:99445740-99738660	0.984973	0.995075	0.014721	0.99634
XLOC_013127	TFCP2L1	chr2:121974163-122042771	0.988152	0.998293	0.0147306	0.995957
XLOC_001762	PFN1P2	chr1:144610814-144612721	0.383567	0.387509	0.0147515	0.997036
XLOC_011670	FBL	chr19:40325092-40337054	547.28	552.908	0.0147604	0.994615
XLOC_002629	PI4K2A	chr10:99400442-99436187	15.0591	15.2142	0.0147819	0.994615
XLOC_018116	HMGNA4	chr6:26538571-26547164	49.0136	49.5195	0.0148146	0.994615
XLOC_023709	TAZ	chrX:153626570-153650061	20.5154	20.7275	0.0148391	0.998526
XLOC_009013	DUSP14	chr17:35849950-35873588	35.4509	35.8199	0.0149395	0.994615
XLOC_018032	PRPF4B	chr6:4021568-4065217	2.82849	2.85794	0.0149405	0.994615
XLOC_011014	PPFIA3	chr19:49622662-49654280	4.48329	4.53005	0.0149683	0.995957
XLOC_012115	PPP1CB	chr2:28974613-29025806	19.5062	19.7099	0.0149835	0.994615
XLOC_002865	WAC-AS1	chr10:28808845-28821283	15.8371	16.0036	0.0150841	0.994615
XLOC_000751	EFNA4	chr1:155006281-155042021	31.5282	31.8604	0.0151202	0.997342
XLOC_002150	SLC41A1	chr1:205758220-205782161	12.1854	12.3139	0.0151315	0.994615
XLOC_006397	ZBTB1	chr14:64971291-65000408	3.93073	3.97256	0.0152723	0.994711
XLOC_009526	PLD6	chr17:17104308-17109646	13.6607	13.8062	0.0152928	0.994978
XLOC_002708	TRUB1	chr10:116697951-11673741	4.0365	4.07954	0.0153008	0.995481
XLOC_002099	KIF14	chr1:200520624-200589861	1.22407	1.23714	0.0153234	0.995957
XLOC_002515	FAM149B1	chr10:74927876-75001939	1.45497	1.47056	0.0153814	0.996156
XLOC_001873	UBE2Q1	chr1:154521050-154531121	21.0256	21.2523	0.0154716	0.994615
XLOC_017670	ELOVL7	chr5:60047615-60140101	3.83928	3.88085	0.0155363	0.995221
XLOC_008639	SLC7A6OS	chr16:68298418-68344868	11.1606	11.2816	0.0155598	0.997036
XLOC_016094	TMEM41A	chr3:185207388-185216841	8.94667	9.04368	0.0155599	0.994527
XLOC_006435	ACOT2	chr14:74034323-74042362	8.8393	8.93536	0.0155936	0.995528
XLOC_021383	PDIA4	chr7:148700153-148725781	73.4617	74.264	0.0156713	0.994615
XLOC_007926	UBN1	chr16:4897911-4932363	5.16964	5.22628	0.0157219	0.994615
XLOC_020693	BCAP29	chr7:107220421-107263761	9.08662	9.18639	0.0157542	0.99451
XLOC_005887	MED4-AS1	chr13:48649863-48669277	3.61487	3.65481	0.01585	0.99862
XLOC_015124	RBM15B	chr3:51428698-51534018	12.3751	12.512	0.0158651	0.994978
XLOC_014467	ADORA2A	chr22:24823529-24890783	1.54993	1.56712	0.0159097	0.997036

XLOC_008135	NLRC5	chr16:57050985-57117436	1.00837	1.01957	0.0159225	0.996284
XLOC_021953	RNF122	chr8:33405272-33424643	3.68779	3.72872	0.0159244	0.996079
XLOC_017767	EPB41L4A	chr5:111498314-111755010	0.946129	0.956657	0.0159651	0.99634
XLOC_022086	TMEM55A	chr8:92006501-92053203	8.51594	8.61081	0.0159829	0.994615
XLOC_022507	HSDL2	chr9:115142188-115234688	15.7426	15.9181	0.015996	0.99451
XLOC_013291	GTF3C3	chr2:197627755-197664492	10.9962	11.1191	0.0160352	0.994615
XLOC_000504	EPHX4	chr1:92495532-92529093	5.04587	5.10234	0.0160552	0.995957
XLOC_006783	FBXO33	chr14:39865576-39901704	2.59963	2.62878	0.016091	0.995302
XLOC_006886	ELMSAN1	chr14:74181824-74253896	3.11517	3.1503	0.0161824	0.994615
XLOC_009330	RPTOR	chr17:78518624-78940173	5.73782	5.8026	0.0161951	0.994615
XLOC_000112	PRDM2	chr1:14026734-14151574	2.23924	2.26455	0.0162209	0.995957
XLOC_023172	AGPAT2	chr9:139567594-139581917	288.501	291.764	0.0162234	0.993358
XLOC_005128	SUDS3	chr12:118814357-11885584	6.48365	6.55698	0.0162245	0.994615
XLOC_009111	CCDC103	chr17:42977079-42981047	1.35566	1.371	0.0162319	0.997036
XLOC_018804	HLA-DMA	chr6:32916390-32920899	0.357169	0.361225	0.0162391	0.995957
XLOC_003414	ALKBH3	chr11:43902356-43942494	19.6735	19.8969	0.0162923	0.994615
XLOC_023823	FUNDC1	chrX:44382884-44402221	12.4288	12.5705	0.0163472	0.995221
XLOC_012565	GLS	chr2:191745546-191830270	9.4048	9.512	0.0163508	0.994553
XLOC_020660	TRIP6	chr7:100464949-100471078	281.028	284.24	0.0163958	0.99451
XLOC_016731	CORIN	chr4:47596017-47840059	0.154602	0.156379	0.0164939	1
XLOC_017367	PCDHA1,PCDHA10,PCDHA	chr5:140165875-140391925	0.163135	0.165014	0.0165244	1
XLOC_008973	SUZ12	chr17:30264043-30328057	9.49089	9.60024	0.0165277	0.994393
XLOC_020650	NYAP1	chr7:100081549-100092424	1.87303	1.89461	0.0165299	0.99634
XLOC_020575	LOC100132832	chr7:76668796-76682355	0.752585	0.761289	0.0165901	0.996453
XLOC_015104	TCTA	chr3:49449638-49453909	8.83257	8.93477	0.016596	0.994615
XLOC_011470	STX10	chr19:13254871-13261188	93.3545	94.4431	0.0167258	0.99351
XLOC_021815	ERIC1H	chr8:614199-681226	9.41785	9.5279	0.0167607	0.994615
XLOC_013849	GPCPD1	chr20:5525079-5591672	2.76709	2.79943	0.0167633	0.994615
XLOC_004621	ETS1	chr11:128328655-12845744	25.6847	25.9851	0.0167775	0.99351
XLOC_009569	SLC46A1	chr17:26698986-26733230	5.69769	5.76454	0.0168266	0.994615
XLOC_017251	PPIP5K2	chr5:102455957-102539224	2.36586	2.39396	0.0170351	0.994615
XLOC_016327	KIAA1211	chr4:57036360-57196890	2.6341	2.66566	0.0171811	0.994615
XLOC_020716	ING3	chr7:120590816-120615717	7.97869	8.07436	0.0171963	0.994615
XLOC_023407	GSPT2	chrX:51486480-51489326	4.36611	4.41847	0.0171985	0.994615
XLOC_007642	DENND4A	chr15:65952956-66084631	1.10496	1.11823	0.0172191	0.994615
XLOC_000532	HIAT1	chr1:100503788-100548925	12.6453	12.7972	0.0172295	0.99351
XLOC_014401	TUBA8	chr22:118593452-18614498	5.78163	5.85114	0.0172411	0.994615
XLOC_020862	ASIC3	chr7:150745378-150749843	1.60856	1.6279	0.017245	0.997036
XLOC_009066	NKIRAS2	chr17:40118758-40190044	13.9713	14.1393	0.0172528	0.997082
XLOC_021282	AASS	chr7:121713597-121784344	5.62368	5.69188	0.0173915	0.99351
XLOC_015318	EEFSEC	chr3:127872312-128127488	15.0522	15.2355	0.0174688	0.99451
XLOC_012248	TET3	chr2:74273449-74335302	1.08168	1.09491	0.0175367	0.994711
XLOC_021407	RHEB	chr7:151163097-151217010	84.4203	85.455	0.0175748	0.99351
XLOC_006632	WDR20	chr14:102606188-10269007	8.43141	8.53495	0.0176079	0.994615
XLOC_005171	DDX55	chr12:124086671-12410548	9.75263	9.87299	0.0176952	0.99351
XLOC_012102	SNX17	chr2:27593362-27603611	45.413	45.974	0.0177117	0.994101
XLOC_001790	HIST2H2BC	chr1:149821758-149822340	7.55907	7.65246	0.0177156	0.996014
XLOC_017612	NADKD1	chr5:36192693-36242258	3.28443	3.32503	0.0177249	0.994615
XLOC_001360	IFNLR1	chr1:24480646-24513765	1.58941	1.60907	0.0177362	0.995048
XLOC_007592	RSL24D1	chr15:55473511-55489231	131.944	133.576	0.0177388	0.99351
XLOC_010442	CNN2	chr19:1026297-1039064	129.543	131.149	0.0177685	0.99351
XLOC_011517	NR2F6	chr19:17342693-17356151	109.774	111.135	0.0177762	0.99351
XLOC_022590	GLE1	chr9:131266970-131304580	32.7868	33.1933	0.0177784	0.99351
XLOC_010063	RAB40B	chr17:80614942-80656598	11.3357	11.4764	0.0177982	0.99451
XLOC_014017	STAU1	chr20:47729875-47804904	30.9214	31.3075	0.0179001	0.99351
XLOC_013949	SCAND1	chr20:34541538-34543281	165.739	167.809	0.0179057	0.99351
XLOC_016091	MAGEF1	chr3:184428154-184429836	32.7745	33.1847	0.0179434	0.99358
XLOC_021596	CHCHD7	chr8:57124314-57131176	21.4393	21.7081	0.0179715	0.99351
XLOC_021680	NDUFAF6	chr8:96037213-96070944	9.3479	9.46508	0.0179725	0.994615
XLOC_004642	B4GALNT3	chr12:569542-671058	2.08849	2.11468	0.017975	0.995302
XLOC_001911	MEF2D	chr1:156433512-156470634	10.0646	10.1909	0.0179931	0.99351
XLOC_011420	KEAP1	chr19:10596795-10614054	38.8291	39.3165	0.0179968	0.99351
XLOC_019145	RMND1	chr6:151725896-151773316	28.5822	28.941	0.0179977	0.99351
XLOC_002659	PPRC1	chr10:103892786-10391005	11.3955	11.539	0.0180485	0.99351
XLOC_010578	ATG4D	chr19:10654646-10676702	19.7159	19.9645	0.0180768	0.997036
XLOC_010172	ZNF397	chr18:32820993-32870196	1.62416	1.64466	0.018096	0.997036
XLOC_021041	DDX56	chr7:44605015-44614137	36.7578	37.2221	0.01811	0.99351
XLOC_008108	LPCAT2	chr16:55542912-55620582	2.02246	2.04803	0.0181272	0.994615
XLOC_024194	SLC10A3	chrX:153715649-153719007	29.8048	30.1835	0.0182146	0.99351
XLOC_020878	INSIG1	chr7:155089485-155101944	14.1966	14.3772	0.0182301	0.99351
XLOC_003927	VPS26B	chr11:134094560-13411768	16.2797	16.4874	0.0182861	0.99351
XLOC_010790	TMEM147	chr19:36024313-36038429	201.48	204.051	0.0182921	0.99351
XLOC_023842	SLC38A5	chrX:48316926-48328644	178.525	180.812	0.0183627	0.99351
XLOC_012448	RAB3GAP1	chr2:135809834-135928275	8.7083	8.82049	0.0184667	0.99351
XLOC_000491	SH3GLB1	chr1:87170252-87213867	9.00737	9.12349	0.0184802	0.993379
XLOC_008426	RSL1D1	chr16:11928054-11945442	66.362	67.2191	0.0185134	0.99351
XLOC_005386	YAF2	chr12:42550906-42632154	2.58602	2.61945	0.0185341	0.994615
XLOC_023620	HPRT1	chrX:133594174-133634691	72.1085	73.0434	0.0185847	0.993379
XLOC_008036	MAZ	chr16:29817416-29822504	128.574	130.242	0.0185909	0.99351

XLOC_009492	STX8	chr17:9153787-9479275	46.6097	47.2145	0.0185977	0.99351
XLOC_010293	PTPN2	chr18:12785476-12884334	19.223	19.4724	0.0185989	0.99351
XLOC_011090	ZNF137P	chr19:53099936-53103405	0.333459	0.337787	0.0186056	1
XLOC_020362	RAC1	chr7:6414125-6443598	105.605	106.978	0.0186407	0.99351
XLOC_015978	COPB2	chr3:139076432-139108527	21.7536	22.037	0.0186728	0.99351
XLOC_012958	AAK1	chr2:69685126-69870977	0.943441	0.955734	0.0186778	0.99351
XLOC_004651	FKBP4	chr12:2904107-2914587	68.0816	68.9722	0.0187495	0.99351
XLOC_005082	FICD	chr12:108909050-10891338	0.666419	0.675149	0.0187772	0.997036
XLOC_011730	CADM4	chr19:44126521-44143991	13.6573	13.8364	0.0187947	0.99351
XLOC_011348	RANBP3	chr19:5914192-5978320	23.8991	24.2127	0.0188107	0.99351
XLOC_008269	GSE1	chr16:85645028-85709812	5.50568	5.57797	0.0188193	0.99351
XLOC_006338	PRPF39	chr14:45553301-45603732	6.20447	6.28613	0.0188617	0.997036
XLOC_010223	CDH20	chr18:59157774-59222365	0.169822	0.172062	0.0189043	1
XLOC_023609	BCORL1	chrX:129139163-129192051	2.65545	2.6905	0.0189195	0.99351
XLOC_008890	GID4	chr17:17942610-17971718	3.64035	3.68847	0.0189435	0.99451
XLOC_013230	SLC25A12	chr2:172639914-172750816	3.83101	3.88191	0.0190427	0.99351
XLOC_000459	TYW3	chr1:75171171-75232360	9.48926	9.61566	0.0190897	0.995302
XLOC_018549	GINM1	chr6:149887527-149912067	14.8246	15.0223	0.0191111	0.994384
XLOC_015156	APPL1	chr3:57261764-57326710	3.71881	3.76863	0.0191996	0.99351
XLOC_000446	MIER1	chr1:67390577-67454302	6.25541	6.33932	0.0192227	0.99351
XLOC_021255	NAMPT	chr7:105888731-105925638	20.2897	20.562	0.019233	0.993379
XLOC_008315	AXIN1	chr16:337439-402676	29.7052	30.1046	0.0192686	0.993379
XLOC_009421	SLC25A11	chr17:4840425-4843462	71.0266	71.9857	0.0193505	0.993379
XLOC_003862	ABCG4	chr11:119019749-11903337	1.42713	1.44645	0.0193993	0.995528
XLOC_013727	CSTF1	chr20:54967426-54979582	13.1637	13.3425	0.0194595	0.99351
XLOC_012978	PRADC1	chr2:73455133-73460356	16.3846	16.6075	0.0194945	0.99351
XLOC_022429	GADD45G	chr9:92219926-92221469	2.12023	2.14921	0.0195866	0.99714
XLOC_000199	ZNF593	chr1:26496387-26497364	144.246	146.221	0.019621	0.993379
XLOC_009676	SMARCE1	chr17:38783975-38804103	35.1741	35.6577	0.0197011	0.993379
XLOC_005518	SMARCC2	chr12:56555635-56583351	15.3432	15.5545	0.019739	0.993379
XLOC_013628	ROMO1	chr20:34256609-34288902	446.26	452.408	0.0197414	0.99351
XLOC_005444	CERS5	chr12:50523580-50561097	28.5389	28.933	0.0197846	0.99316
XLOC_021601	UBXN2B	chr8:59323822-59364060	6.61089	6.70218	0.0197859	0.993379
XLOC_002577	STAMBPL1	chr10:90639943-90683259	3.73829	3.79001	0.0198206	0.994519
XLOC_000249	TMEM39B	chr1:32538502-32568467	17.3034	17.5429	0.0198315	0.99351
XLOC_016303	NIPAL1	chr4:48018790-48039080	0.145068	0.147079	0.0198655	1
XLOC_000454	HHLA3	chr1:70820492-70833705	32.6864	33.1398	0.0198749	0.99351
XLOC_003911	DCPS	chr11:126173646-12622548	32.9644	33.4218	0.0198824	0.993379
XLOC_005297	CSDA	chr12:10851675-10875953	136.84	138.743	0.0199239	0.993379
XLOC_017124	PARP8	chr5:49961732-50142356	2.31392	2.34611	0.0199347	0.99351
XLOC_008361	PGP	chr16:2261602-2264822	10.8062	10.9567	0.0199623	0.99351
XLOC_015431	PPM1L	chr3:160473995-160788817	0.309389	0.313701	0.0199644	1
XLOC_016463	CCDC109B	chr4:110481354-110608872	35.1822	35.6732	0.0199977	0.993379
XLOC_021679	INTS8	chr8:95835517-95907482	14.0411	14.2372	0.0200095	0.99351
XLOC_014632	TBC1D22A	chr22:47158517-47571342	13.6545	13.8452	0.0200129	0.993379
XLOC_011553	LPAR2	chr19:19734465-19739039	16.9287	17.1652	0.0200202	0.99351
XLOC_021398	FASTK	chr7:150773707-15077797	47.7311	48.4004	0.0200899	0.99351
XLOC_018294	BYSL	chr6:41888964-41900784	37.1967	37.7198	0.0201489	0.99316
XLOC_001886	GBAP1	chr1:155178489-155197327	0.946119	0.959438	0.0201681	0.998526
XLOC_015772	SELK	chr3:53919225-53925989	60.094	60.9404	0.0201786	0.993379
XLOC_012557	WDR75	chr2:190306158-190340264	9.21027	9.34026	0.0202196	0.993379
XLOC_010828	SIPA1L3	chr19:38397867-38699008	2.79339	2.83293	0.0202745	0.99351
XLOC_013591	TM9SF4	chr20:30697308-30755061	15.509	15.7288	0.0203075	0.993379
XLOC_017530	MAML1	chr5:179159850-179204287	5.84631	5.92924	0.0203214	0.99351
XLOC_008534	VKORC1	chr16:31102174-31106276	367.213	372.423	0.0203219	0.99316
XLOC_008325	RPUSD1	chr16:834973-838383	77.4796	78.5807	0.02036	0.992939
XLOC_014621	ATXN10	chr22:46067677-46241187	20.9621	21.26	0.0203616	0.993108
XLOC_007872	TRAF7	chr16:2205798-2246465	31.385	31.8341	0.0204984	0.99351
XLOC_000133	MST1P2	chr1:16972068-16976915	0.723375	0.733737	0.0205204	0.99634
XLOC_015026	WDR48	chr3:39093506-39137881	5.53883	5.61825	0.0205389	0.993379
XLOC_016725	GNPDA2	chr4:44703811-44728651	4.08254	4.14112	0.0205527	0.99351
XLOC_001652	GLMN	chr1:92711954-92853732	4.87812	4.94824	0.0205904	0.995957
XLOC_012924	FANCL	chr2:58273776-58468515	8.07126	8.18731	0.0205952	0.99451
XLOC_001460	C1orf109	chr1:38147241-38156192	6.64649	6.74208	0.0206001	0.99351
XLOC_009883	RNFT1	chr17:58029722-58042117	7.48689	7.59458	0.0206019	0.99351
XLOC_005117	C12orf52	chr12:113623554-11363017	23.0314	23.3631	0.0206249	0.993379
XLOC_009900	STRADA	chr17:61780191-61819330	12.812	12.9969	0.0206627	0.99351
XLOC_012553	GULP1	chr2:189156395-189460657	2.46325	2.49887	0.0207111	0.99451
XLOC_005138	GATC	chr12:120884240-12090757	8.2513	8.3709	0.0207605	0.997036
XLOC_000972	RNPEP	chr1:201951765-201975277	34.2616	34.7606	0.0208614	0.993108
XLOC_003575	C11orf84	chr11:63580922-63595190	45.6573	46.3235	0.0208979	0.992797
XLOC_009585	DHR13	chr17:27224798-27230089	35.4018	35.9196	0.0209489	0.993108
XLOC_013139	AMMECR1L	chr2:128619206-128643514	6.33143	6.42459	0.0210739	0.993379
XLOC_015753	TWF2	chr3:52262625-52273183	109.785	111.401	0.0210746	0.992797
XLOC_007835	STUB1	chr16:7301114-734439	56.7677	57.6038	0.0210952	0.994978
XLOC_005063	HSP90B1	chr12:104324111-10434170	100.545	102.032	0.0211785	0.99316
XLOC_018063	JARID2	chr6:15246205-15522273	2.12313	2.15455	0.021192	0.99351
XLOC_001874	ADAR	chr1:154554533-154600457	20.9031	21.2124	0.0211942	0.993348
XLOC_021011	HERPUD2	chr7:35672269-35734772	6.43021	6.5254	0.0212003	0.99351

XLOC_017772	PGGT1B	chr5:114546526-114598566	4.278	4.3414	0.0212242	0.99351
XLOC_012366	SH3RF3	chr2:109743783-110262207	0.898844	0.912177	0.0212427	0.995528
XLOC_014848	TOB2	chr22:41829491-41843027	15.5618	15.7929	0.0212672	0.992797
XLOC_017518	LOC728554	chr5:177302261-177311268	27.3636	27.7702	0.0212837	0.992797
XLOC_013623	PROC	chr20:33759773-33765165	168.468	170.974	0.0213074	0.992939
XLOC_017350	UBE2D2	chr5:138940750-139008018	35.0307	35.5528	0.0213454	0.992797
XLOC_021006	RP9	chr7:33134409-33149002	13.8424	14.0488	0.0213522	0.99351
XLOC_011785	STRN4	chr19:47222767-47261832	47.2223	47.927	0.0213709	0.992797
XLOC_001010	MAPKAPK2	chr1:206858364-206907630	33.6472	34.1508	0.0214323	0.991938
XLOC_020875	LOC100132707	chr7:154720226-154794687	0.861591	0.87451	0.0214715	0.998342
XLOC_015972	PIK3CB	chr3:138371539-138478207	2.75822	2.79965	0.0215102	0.99351
XLOC_012616	CCNYL1	chr2:208576263-208620896	2.75808	2.79965	0.0215812	0.994615
XLOC_020361	USP42	chr7:6144549-6201195	2.49717	2.53485	0.0216056	0.99351
XLOC_014869	ARFGAP3	chr22:43192531-43253408	7.22424	7.33327	0.0216112	0.993285
XLOC_017162	CCNB1	chr5:68462836-68474070	52.1907	52.9792	0.0216341	0.992797
XLOC_004131	PAX6	chr11:31806339-31908587	0.0942772	0.0957016	0.0216342	1
XLOC_015697	IP6K2	chr3:48725435-48754711	58.5482	59.4336	0.0216528	0.993379
XLOC_009346	MAPK-AS1	chr17:79885704-79888629	6.68274	6.78397	0.02169	0.99351
XLOC_009649	C17orf96	chr17:36827958-36831187	24.3332	24.702	0.0217013	0.992797
XLOC_021229	FIS1	chr7:100882892-100888377	187.038	189.88	0.021762	0.991938
XLOC_017835	BRD8	chr5:137475458-137514358	11.8723	12.053	0.0217919	0.992651
XLOC_022996	CTNNA1	chr9:111704850-111775764	31.1756	31.6515	0.0218558	0.992797
XLOC_021623	CSP1	chr8:67976602-68108849	2.06282	2.09437	0.0218959	0.993379
XLOC_001513	MUTYH	chr1:45794913-45956840	11.0076	11.176	0.0219121	0.996079
XLOC_010587	CARM1	chr19:10982252-11039357	47.5421	48.2724	0.0219933	0.993379
XLOC_008662	PHLPP2	chr16:71678851-71748704	1.41455	1.43631	0.0220271	0.993379
XLOC_022148	EXT1	chr8:118811601-119124058	13.4951	13.7028	0.0220367	0.992797
XLOC_022124	ZNF706	chr8:102209265-102218297	39.1418	39.7455	0.0220827	0.992651
XLOC_011285	KLF16	chr19:1852397-1863564	50.811	51.5949	0.0220878	0.992797
XLOC_008656	VAC14	chr16:70721341-70835061	28.06	28.4947	0.0221789	0.991767
XLOC_023516	CENPI	chrX:100354797-100417971	0.569943	0.578788	0.0222173	0.996079
XLOC_016515	ZNF330	chr4:142142048-142155850	27.5439	27.9727	0.0222867	0.991767
XLOC_018295	TAF8	chr6:42018250-42048644	4.72948	4.8032	0.0223124	0.993379
XLOC_000605	HIPK1	chr1:114471995-114520497	2.41583	2.45349	0.0223191	0.99316
XLOC_001258	LZIC	chr1:9989775-10002826	10.1794	10.3383	0.0223449	0.993379
XLOC_023300	EIF2S3	chrX:24073064-24096927	91.8006	93.234	0.0223522	0.991956
XLOC_005373	FAM60A	chr12:31433519-31479159	29.7069	30.1766	0.0226298	0.991767
XLOC_006482	TTC8	chr14:89290977-89344335	5.49271	5.57973	0.0226776	0.993379
XLOC_004524	ALG9	chr11:111652918-11174230	3.82127	3.88202	0.022757	0.992797
XLOC_008234	GABARAPL2	chr16:75600248-75611779	102.899	104.536	0.022767	0.991767
XLOC_001430	RNF19B	chr1:33402049-33430286	10.8921	11.0657	0.0228082	0.992797
XLOC_012989	C2orf81	chr2:74641302-74644844	3.85438	3.91587	0.0228341	0.994507
XLOC_010548	SNAPC2	chr19:7985193-7988136	58.5211	59.4595	0.0229502	0.992191
XLOC_020772	C7orf73	chr7:135347220-135361160	13.0542	13.2635	0.0229526	0.992797
XLOC_023144	RNU6ATAC	chr9:137029561-137029688	36.9341	37.5275	0.0229967	0.994615
XLOC_022314	CHMP5	chr9:33264876-33282067	33.4931	34.0319	0.023025	0.991767
XLOC_015186	GXYLT2	chr3:72937384-73024522	0.667192	0.67796	0.0230998	0.997036
XLOC_002544	LINC00857	chr10:81967465-81979413	0.962806	0.97835	0.0231055	0.994978
XLOC_001064	MIA3	chr1:222791443-222841357	4.15157	4.21882	0.0231818	0.992272
XLOC_023946	RLIM	chrX:73802810-73834461	4.24563	4.31447	0.0232048	0.992073
XLOC_008099	NKD1	chr16:50582240-50674771	1.11404	1.13211	0.0232128	0.993379
XLOC_008422	LITAF	chr16:11641577-11681322	28.5343	28.9974	0.0232263	0.991767
XLOC_021468	NEIL2	chr8:11627171-11644854	22.4702	22.8353	0.0232545	0.991767
XLOC_011708	LIPE	chr19:42901299-43156507	3.47815	3.53474	0.0232848	0.99351
XLOC_005103	SH2B3	chr12:111843751-11188947	11.5952	11.784	0.0233025	0.991767
XLOC_017665	MIER3	chr5:56205086-56247954	1.74757	1.77617	0.023421	0.99351
XLOC_006987	PPP1R13B	chr14:104200087-10431397	2.47646	2.51709	0.0234804	0.99351
XLOC_011509	EPS15L1	chr19:16466054-16582823	12.956	13.1695	0.0235723	0.991767
XLOC_022259	KANK1	chr9:470293-746106	2.14107	2.17637	0.0235935	0.992797
XLOC_015647	SEC22C	chr3:42589458-42690233	7.67671	7.80343	0.0236213	0.99634
XLOC_015598	DPH3	chr3:16298567-16306496	3.291	3.34536	0.0236355	0.993379
XLOC_023403	CCNB3	chrX:50027539-50094911	0.461866	0.46952	0.0237124	0.997036
XLOC_006373	ACTR10	chr14:58666832-58702353	13.3318	13.5533	0.0237719	0.991767
XLOC_008819	CHRN1	chr17:7348405-7360932	36.7824	37.3941	0.0237945	0.991767
XLOC_004920	ERBB3	chr12:56473808-56497291	4.97301	5.05585	0.0238348	0.995302
XLOC_018517	PEX7	chr6:137143701-137235077	8.14904	8.28523	0.0239118	0.992939
XLOC_008416	DEXI	chr16:11022747-11036257	29.8072	30.3064	0.0239622	0.991767
XLOC_009296	UBALD2	chr17:74261285-74267379	95.3353	96.9328	0.0239739	0.991767
XLOC_004392	CLPB	chr11:72003469-72145724	6.26503	6.37004	0.0239811	0.993108
XLOC_005325	SSG1	chr12:13236470-13256630	0.0387521	0.0394024	0.0240084	1
XLOC_005400	SLC38A2	chr12:46751970-46766645	37.0998	37.7232	0.0240415	0.991767
XLOC_006985	BAG5	chr14:104022880-10402918	5.5923	5.68628	0.0240427	0.991767
XLOC_016631	FAM53A	chr4:1641607-1685988	3.04725	3.09846	0.0240454	0.99351
XLOC_022959	CDC14B	chr9:99262394-99382112	4.23752	4.30875	0.0240487	0.992797
XLOC_021042	TMED4	chr7:44618761-44621827	38.5583	39.2081	0.0241076	0.992362
XLOC_001414	PEF1	chr1:32095462-32110838	35.599	36.2001	0.0241535	0.991767
XLOC_009667	IKZF3	chr17:37913967-38020441	0.0172917	0.0175838	0.0241671	1
XLOC_021573	VDAC3	chr8:42249278-42263455	106.488	108.287	0.0241728	0.991767
XLOC_001693	SORT1	chr1:109852187-109940566	5.67211	5.76803	0.0241926	0.991767

XLOC_005750	ANAPC5	chr12:121746047-12179201	45.8322	46.6074	0.0241995	0.991767
XLOC_023426	APEX2	chrX:55026755-55034306	22.0546	22.4282	0.0242341	0.991767
XLOC_013219	STK39	chr2:168810529-169104101	9.23581	9.3927	0.0243004	0.991767
XLOC_000068	SPSB1	chr1:9352940-9429590	15.3779	15.6393	0.0243236	0.991767
XLOC_010968	C5AR1	chr19:47813103-47825327	0.306065	0.311274	0.0243463	1
XLOC_003395	CAPRIN1	chr11:34073229-34124157	35.5736	36.1796	0.0243705	0.991767
XLOC_009140	SP2	chr17:45973515-46006323	4.26543	4.33815	0.0243865	0.993379
XLOC_013908	MIR663A	chr20:26167654-26189669	871.489	886.349	0.0243935	0.99634
XLOC_020511	ZNF138	chr7:64254765-64314178	2.8154	2.86349	0.0244347	0.993379
XLOC_022046	UBE2W	chr8:74692331-74791145	4.61795	4.69707	0.0245082	0.992797
XLOC_021023	MPLKIP	chr7:40172341-40174251	25.4013	25.8372	0.0245477	0.992797
XLOC_013729	RTFDC1	chr20:55043646-55101208	48.2564	49.0846	0.0245511	0.991767
XLOC_013182	ARL5A	chr2:152657479-152685001	11.0311	11.2204	0.0245529	0.991767
XLOC_007161	ITPKA	chr15:41786055-41795757	33.8864	34.4692	0.0245989	0.991767
XLOC_012522	SCRN3	chr2:175260456-175294301	1.75453	1.78473	0.0246201	0.99351
XLOC_021161	SAMD9	chr7:92728825-92747336	0.188056	0.191296	0.024641	1
XLOC_017788	FLJ33630	chr5:127357243-127418761	0.920052	0.93592	0.0246688	0.99451
XLOC_017011	AGA	chr4:178351928-178363657	2.25649	2.29542	0.0246784	0.99351
XLOC_000192	LDLRAP1	chr1:25870075-25895377	9.51471	9.67898	0.0246946	0.991767
XLOC_016752	PPAT	chr4:57259528-57301802	7.30012	7.42632	0.0247283	0.991767
XLOC_016737	OCIAD2	chr4:48887404-48908815	273.145	277.869	0.0247366	0.990994
XLOC_016423	PKD2	chr4:88928798-88998931	1.63593	1.66427	0.0247815	0.993379
XLOC_008214	SF3B3	chr16:70557690-70611571	23.1059	23.5068	0.0248165	0.990994
XLOC_018534	PHACTR2	chr6:143929316-144152322	1.756	1.78651	0.0248527	0.991767
XLOC_018861	OARD1	chr6:41034530-41040188	12.1018	12.3123	0.0248884	0.992642
XLOC_017155	TRAPPC13	chr5:64920557-65017941	5.54637	5.64304	0.0249287	0.99351
XLOC_014615	ARHGAP8,PRR5,PRR5-AR1	chr22:45064426-45258664	29.8697	30.3911	0.024965	0.991767
XLOC_016577	GALNT7	chr4:174089903-174245111	3.78141	3.84745	0.0249784	0.991767
XLOC_009743	GHDC	chr17:40341104-40346550	15.8382	16.115	0.0249926	0.991767
XLOC_003666	NDUFV1	chr11:67374322-67380012	168.733	171.682	0.0249982	0.990994
XLOC_001104	GNPAT	chr1:231359508-231413711	17.3801	17.6839	0.0249993	0.991767
XLOC_006945	BTBD7	chr14:93703895-93799385	2.86582	2.91591	0.0250003	0.993379
XLOC_009745	STAT3	chr17:40465342-40540513	8.77062	8.92398	0.0250079	0.991767
XLOC_022796	KIAA1161	chr9:34368906-34376894	1.25262	1.27453	0.0250202	0.994498
XLOC_010753	NUDT19	chr19:33182866-33204702	15.6969	15.9721	0.0250708	0.991767
XLOC_021789	EXOSC4	chr8:145133521-145135557	112.018	113.986	0.0251274	0.991767
XLOC_020973	SKAP2	chr7:26706687-26904341	4.13882	4.21196	0.0252717	0.991767
XLOC_010127	SLMO1	chr18:12407894-12432236	7.37712	7.5075	0.0252762	0.993379
XLOC_012380	POLR1B	chr2:113299491-113334727	8.12047	8.26411	0.0252959	0.991767
XLOC_011782	DACT3	chr19:47150868-47220384	2.14796	2.18609	0.0253861	0.997036
XLOC_012962	C2orf42	chr2:70377016-70418151	2.33827	2.37988	0.025448	0.99351
XLOC_011814	MAMSTR	chr19:49216254-49222976	1.03999	1.05852	0.0254787	0.995957
XLOC_007709	TSPAN3	chr15:77336359-77363570	44.4778	45.2711	0.0255044	0.990857
XLOC_012500	PPIG	chr2:170440849-170494254	7.47915	7.61309	0.0256078	0.991767
XLOC_023535	TCEAL3	chrX:102862833-102864851	15.789	16.0719	0.0256262	0.991767
XLOC_002748	FAM175B	chr10:126490353-12652521	4.7961	4.88222	0.0256761	0.991767
XLOC_014858	NDUFA6	chr22:42481529-42486888	64.1623	65.3157	0.0257062	0.990857
XLOC_003902	CHEK1	chr11:125495030-12555071	11.6914	11.9019	0.0257379	0.991767
XLOC_012094	KHK	chr2:27309610-27341995	7.59423	7.73094	0.0257402	0.995221
XLOC_017300	ISOC1	chr5:128430441-128449711	8.01793	8.16252	0.0257848	0.991938
XLOC_003156	FAM204A	chr10:120068571-12010181	11.2207	11.4234	0.0258288	0.990994
XLOC_014704	PPM1F	chr22:22273791-22307250	11.8491	12.0641	0.0259326	0.990857
XLOC_013360	TMBIM1	chr2:219135114-219211511	67.922	69.1596	0.0260501	0.991767
XLOC_010896	TMEM145	chr19:42817476-42829214	27.5503	28.0526	0.0260685	0.990857
XLOC_011353	GTF2F1	chr19:6379579-6393291	55.3994	56.4104	0.0260893	0.990857
XLOC_017714	MTX3	chr5:79272538-79287088	1.53115	1.55909	0.0260899	0.991767
XLOC_007943	SNX29	chr16:12070601-12668146	0.466525	0.475045	0.0261096	0.99351
XLOC_010423	CDC34	chr19:531732-542087	124.999	127.288	0.0261822	0.990857
XLOC_008958	CPD	chr17:28705941-28796675	4.02935	4.10315	0.0261823	0.990795
XLOC_022129	AZIN1	chr8:103838535-103876397	28.2676	28.786	0.0262185	0.990857
XLOC_011334	TICAM1	chr19:4815935-4831754	15.9656	16.2591	0.0262859	0.991459
XLOC_020782	C7orf55,C7orf55-LUC7L2,LL	chr7:139025104-139112277	44.6215	45.4426	0.026304	0.992109
XLOC_001876	PMVK	chr1:154897207-154909484	26.2947	26.7794	0.0263479	0.991459
XLOC_018568	ARID1B	chr6:157099063-157531917	2.9451	2.99939	0.0263527	0.991569
XLOC_002173	LPGAT1	chr1:211916798-212004114	4.96537	5.05711	0.0264115	0.990857
XLOC_002843	C10orf114	chr10:21783420-21786213	8.48617	8.64315	0.0264433	0.992939
XLOC_006276	MRPL52	chr14:23299091-23304246	69.2429	70.5249	0.026466	0.990857
XLOC_016480	SNORA24	chr4:119199916-119200971	18.8059	19.1541	0.026466	0.993721
XLOC_015652	GTDC2	chr3:43120720-43147575	9.25272	9.4242	0.0264926	0.991767
XLOC_004246	VWCE	chr11:61025757-61062788	0.469703	0.478408	0.0264948	0.994615
XLOC_022226	SCRIB	chr8:144873089-144897541	34.9695	35.6179	0.0265036	0.990857
XLOC_009417	PELP1	chr17:4574678-4607632	19.1598	19.5158	0.0265652	0.990857
XLOC_015096	ATRIP,TREX1	chr3:48488113-48509044	5.50456	5.6071	0.0266284	0.992182
XLOC_002637	CUTC	chr10:101419262-10151581	16.2796	16.583	0.0266355	0.996453
XLOC_020934	NDUFA4	chr7:10971579-10979813	71.3946	72.7278	0.0266925	0.990857
XLOC_008750	WDR81	chr17:1619816-1641893	12.82	13.0595	0.0267034	0.991767
XLOC_018572	SYNJ2	chr6:158402887-158520207	1.08446	1.10477	0.0267788	0.992841
XLOC_001446	TRAPPC3	chr1:36602169-36621654	63.8239	65.0202	0.02679	0.990857
XLOC_010165	RNF125	chr18:29598444-29653154	2.08128	2.12049	0.0269291	0.991767

XLOC_014148	IFNGR2	chr21:34775201-34852316	40.5266	41.2906	0.0269443	0.991767
XLOC_021107	DNAJC30	chr7:73095247-73097781	10.7169	10.9189	0.0269493	0.991305
XLOC_007247	SNX1	chr15:64388082-64436433	5.84524	5.9559	0.0270579	0.990857
XLOC_007715	TBC1D2B	chr15:78287326-78369994	3.3591	3.42271	0.0270639	0.991569
XLOC_007564	FBN1	chr15:48700502-48937985	0.0157211	0.0160193	0.0271047	1
XLOC_004844	ATF1	chr12:51157788-51214943	6.7766	6.90519	0.0271191	0.991459
XLOC_017848	DNAJC18	chr5:138745891-138775214	2.04376	2.08269	0.0272243	0.991767
XLOC_009891	APPBP2	chr17:58520519-58603580	3.04888	3.10712	0.0272972	0.991214
XLOC_008167	CBFB	chr16:67063049-67134958	17.1104	17.4377	0.0273287	0.990857
XLOC_002501	EIF4EBP2	chr10:72163860-72188374	4.65526	4.74433	0.0273425	0.990857
XLOC_004735	CREBL2	chr12:12764830-12798041	5.58443	5.69143	0.0273799	0.991459
XLOC_014898	ALG12	chr22:50296853-50312106	6.85135	6.98295	0.0274485	0.991767
XLOC_012013	CHMP2A	chr19:59062932-59066486	108.565	110.652	0.0274609	0.990324
XLOC_021003	KBTBD2	chr7:32907777-32931468	8.17371	8.33078	0.027461	0.990857
XLOC_009217	METTL2A	chr17:60501245-60527454	10.0636	10.2574	0.027522	0.990857
XLOC_015676	SETD2	chr3:47057897-47205467	2.65789	2.70919	0.0275774	0.990857
XLOC_006303	LTB4R,LTB4R2	chr14:24774392-24787242	3.87732	3.95218	0.0275884	0.993713
XLOC_017950	STK10	chr5:171469073-171615346	6.85208	6.98444	0.0276018	0.990857
XLOC_001117	GGPS1	chr1:235491752-235507844	8.63622	8.80345	0.0276683	0.990857
XLOC_004646	WNT5B	chr12:1726221-1756378	0.0545045	0.05556	0.0276718	1
XLOC_004783	PPFIBP1	chr12:27677044-27848497	3.57488	3.64416	0.0276904	0.990857
XLOC_013957	MROH8	chr20:35729628-35870025	0.0940152	0.0958436	0.0277878	1
XLOC_021342	ZC3HAV1	chr7:138728265-138794465	5.74529	5.85712	0.0278125	0.991767
XLOC_015559	LHFPL4	chr3:9540044-9595486	0.947064	0.965526	0.0278532	0.99351
XLOC_011360	TNFSF14	chr19:6663147-6670599	0.0406613	0.0414541	0.0278566	1
XLOC_000502	CDC7	chr1:91966403-91991321	2.38075	2.42741	0.028001	0.991857
XLOC_012110	MRPL33	chr2:27994583-28002608	131.945	134.531	0.028004	0.990324
XLOC_015656	KIAA1143	chr3:44790235-44803173	8.1791	8.33944	0.0280072	0.990324
XLOC_011663	PAF1	chr19:39876269-39881835	16.758	17.0873	0.0280696	0.990324
XLOC_012573	MARS2	chr2:198570027-198573114	7.5639	7.71278	0.0281211	0.990857
XLOC_023122	RAPGEF1	chr9:134452156-134612925	18.1721	18.5307	0.0281897	0.989344
XLOC_012586	CASP10	chr22:202047620-202094125	0.95513	0.974018	0.0282514	0.992939
XLOC_014488	HSCB	chr22:29138042-29153496	20.8393	21.2517	0.0282709	0.990857
XLOC_014553	MICALL1	chr22:38302154-38338465	21.6205	22.0486	0.0282846	0.990018
XLOC_018277	FTSJD2	chr6:37400906-37449284	9.93945	10.1366	0.0283315	0.990324
XLOC_008704	ZDHHC7	chr16:85008066-85045141	12.166	12.4086	0.0284875	0.990795
XLOC_007433	ASB7	chr15:101142754-101191910	2.39783	2.44569	0.0285095	0.992939
XLOC_014920	SETMAR	chr3:4344987-4358949	5.61957	5.73204	0.0285887	0.992797
XLOC_000311	ZNF684	chr1:40997232-41013841	0.99639	1.01635	0.0286199	0.99351
XLOC_004249	CPSF7	chr11:61170119-61197464	16.0435	16.3651	0.0286352	0.989748
XLOC_005728	WSB2	chr12:118470491-11849895	19.3177	19.7057	0.0286887	0.98972
XLOC_007527	EHD4	chr15:42191638-42264755	15.5707	15.8839	0.0287317	0.989719
XLOC_014637	ZBED4	chr22:50247496-50283726	3.94581	4.02522	0.0287486	0.990857
XLOC_015041	CTNNB1	chr3:41240941-41281939	54.2834	55.3806	0.0288687	0.989719
XLOC_001106	DISC1,TSNAX	chr1:231664398-232177015	9.69468	9.89082	0.0288971	0.990315
XLOC_008115	OGFOD1	chr16:56485423-56511407	13.2481	13.5163	0.0289106	0.989869
XLOC_023157	UBAC1	chr9:138824814-138853226	40.0879	40.9003	0.0289453	0.989365
XLOC_022004	IMPAD1	chr8:57870487-57906430	10.621	10.8364	0.028976	0.98972
XLOC_004527	PIH1D2	chr11:111895537-11194485	1.17211	1.19593	0.0290278	0.997036
XLOC_023853	GPKOW	chrX:48969021-48980079	9.80276	10.002	0.0290323	0.990324
XLOC_019159	EZR	chr6:159186772-159240456	70.4576	71.8915	0.0290647	0.989365
XLOC_007133	SPRED1	chr15:38545051-38649450	3.30779	3.37537	0.0291782	0.990315
XLOC_021854	MFHAS1	chr8:8641998-8751131	1.61219	1.64514	0.0291846	0.992797
XLOC_003824	TTC12	chr11:113185250-11323711	5.47756	5.58957	0.0292036	0.991569
XLOC_004740	RPL13AP20	chr12:13028410-13029070	2.34731	2.39533	0.0292172	0.994615
XLOC_011607	U2AF1L4	chr19:36233427-36236336	3.02299	3.08484	0.0292182	0.994615
XLOC_009537	TOP3A	chr17:18177234-18218321	4.03432	4.11692	0.0292378	0.990857
XLOC_007291	NEO1	chr15:73344824-73597547	6.47672	6.60937	0.0292498	0.989748
XLOC_006162	MYCBP2	chr13:77618791-77901177	1.4385	1.46799	0.0292741	0.990324
XLOC_011280	MBD3	chr19:1576677-1592652	64.0601	65.375	0.0293116	0.989268
XLOC_015679	ELP6	chr3:47537129-47555199	26.2501	26.7907	0.0294106	0.990324
XLOC_004743	LOC100506314	chr12:13127798-13153243	0.630069	0.643071	0.0294683	0.932231
XLOC_010850	PLEKHG2	chr19:39903749-39919055	6.25197	6.38121	0.0295206	0.989365
XLOC_008466	RRN3P1	chr16:21807950-21830495	5.17054	5.27746	0.0295274	0.991767
XLOC_011183	BRSK1	chr19:55795533-55823903	9.4919	9.68844	0.0295678	0.990857
XLOC_022973	TBC1D2	chr9:100961279-101018003	10.5068	10.7248	0.029623	0.990857
XLOC_018881	MEA1	chr6:42952236-42981618	140.586	143.51	0.0296963	0.991767
XLOC_001733	SIKE1	chr1:115312104-115323308	4.22097	4.30885	0.0297281	0.98972
XLOC_009200	SMG8	chr17:57287370-57292611	6.05277	6.17902	0.0297817	0.990324
XLOC_001949	CCDC19	chr1:159842153-159869906	0.164223	0.167649	0.0297884	1
XLOC_007138	EIF2AK4	chr15:40226346-40327797	7.98173	8.14857	0.029845	0.98923
XLOC_007756	NMB	chr15:85198359-85201802	33.7264	34.4333	0.029924	0.990324
XLOC_009790	ARHGAP27	chr17:43471267-43503012	6.69239	6.8328	0.0299535	0.990857
XLOC_006885	PNMA1	chr14:74178485-74181128	22.5895	23.0639	0.0299829	0.989365
XLOC_021618	RRS1	chr8:67341262-67342968	37.7022	38.4941	0.02999	0.989344
XLOC_017809	VDAC1	chr5:133307565-133340824	143.62	146.64	0.0300257	0.988657
XLOC_008555	VPS35	chr16:46693588-46723144	14.9415	15.2561	0.0300602	0.98922
XLOC_008179	CTCF	chr16:67596309-67673088	11.4379	11.679	0.0301008	0.989365
XLOC_014387	MCM3AP	chr21:47649157-47705236	8.15162	8.32352	0.0301076	0.988657

XLOC_017425	NDST1	chr5:149887673-14993777:	4.3456	4.43734	0.0301383	0.989869
XLOC_022605	NTMT1	chr9:132388434-13240444:	141.683	144.677	0.0301674	0.993379
XLOC_014784	RFP13S	chr22:32750871-32767063	1.89413	1.93419	0.0301945	0.99351
XLOC_009373	MYO1C	chr17:1367479-1396001	46.5818	47.567	0.0301953	0.989268
XLOC_001635	ODF2L	chr1:86812506-86862025	2.88769	2.94878	0.0302028	0.990857
XLOC_012263	MRP119	chr2:75873908-75889334	7.44625	7.60385	0.0302156	0.989268
XLOC_017805	ZCCHC10	chr5:132332677-13236224:	4.16565	4.25402	0.030284	0.991767
XLOC_007259	DIS3L	chr15:66585632-66626236	3.49236	3.56677	0.030416	0.990857
XLOC_015523	HES1	chr3:193853930-19385640:	21.7874	22.252	0.0304391	0.990857
XLOC_010265	THOC1	chr18:214519-268059	8.16864	8.34284	0.0304419	0.990324
XLOC_011655	SARS2	chr19:39405903-39423659	15.8857	16.2246	0.0304588	0.994711
XLOC_012709	EIF4E2	chr2:233415356-23343392:	40.8437	41.7155	0.0304679	0.989344
XLOC_023062	ZBTB26	chr9:125680377-12569377:	0.903673	0.922971	0.0304843	0.99351
XLOC_014018	ZNFX1	chr20:47862438-47905795	2.11322	2.15837	0.0304959	0.997082
XLOC_005133	PRKAB1	chr12:120105760-1201194:	10.1672	10.3846	0.0305281	0.990315
XLOC_014565	APOBEC3F	chr22:39436672-39451975	3.23076	3.3	0.030593	0.994615
XLOC_010919	ZNF227	chr19:44716690-44741421	3.53774	3.61397	0.0307552	0.990857
XLOC_016391	SEPT11	chr4:77870894-77959768	14.3018	14.6101	0.0307661	0.988533
XLOC_011587	RHPN2	chr19:33469497-33555824	4.33447	4.42799	0.0307983	0.990324
XLOC_008320	JMJDB8	chr16:7301114-734439	52.2643	53.3951	0.0308816	0.991767
XLOC_016179	RNF4	chr4:2470794-2517586	17.7561	18.1424	0.031047	0.988714
XLOC_008931	TMEM97	chr17:26646120-26662515	25.9938	26.5599	0.0310812	0.991459
XLOC_008464	SLC7A5P2	chr16:21529229-21531765	0.475598	0.485986	0.0311697	0.994615
XLOC_003346	C11orf58	chr11:16760147-16779901	25.5234	26.082	0.0312334	0.988154
XLOC_013556	PLK1S1	chr20:21106623-21227258	5.59377	5.71656	0.0313275	0.990857
XLOC_003393	HIPK3	chr11:33279167-33375939	0.397965	0.406718	0.0313891	0.99351
XLOC_022732	PSIP1	chr9:15464064-15511003	28.3919	29.0176	0.0314479	0.989365
XLOC_000531	SLC35A3	chr1:100435344-10049253:	2.44354	2.49744	0.0314773	0.98972
XLOC_013903	NANP	chr20:25593572-25604648	2.56431	2.62089	0.0314869	0.990857
XLOC_017206	SCAMP1	chr5:77656338-77776562	6.16242	6.29866	0.0315494	0.988166
XLOC_009016	SOC57	chr17:36508006-36561846	2.08456	2.13067	0.0315645	0.990574
XLOC_005794	GOLGA3	chr12:133345494-1334054:	5.43956	5.55993	0.0315745	0.988166
XLOC_006429	DCAF4	chr14:73393039-73426357	9.22491	9.42921	0.0316016	0.989748
XLOC_006733	TM9SF1	chr14:24658352-24664882	19.0836	19.5078	0.0317121	0.989108
XLOC_001235	CHD5	chr1:6161846-6240194	0.0424387	0.043382	0.0317188	1
XLOC_004513	NPAT	chr11:108028118-1080933:	1.35648	1.38666	0.031754	0.990939
XLOC_010727	ZNF738	chr19:21541734-21571384	0.669799	0.684708	0.0317594	0.990857
XLOC_008864	COX10	chr17:13932608-14111996	7.81507	7.98914	0.0317806	0.990857
XLOC_004474	MRE11A	chr11:94150468-94227040	1.78175	1.82145	0.031795	0.990324
XLOC_015560	CAMK1	chr3:9791627-9811668	32.5372	33.2623	0.0317988	0.990857
XLOC_008359	CASKIN1	chr16:2205798-2246465	12.1404	12.4111	0.0318128	0.99351
XLOC_007963	PKD1P1	chr16:16411465-16444465	16.6703	17.0434	0.03193	0.988166
XLOC_015906	HSPBAP1	chr3:122458843-12251266:	5.97329	6.10705	0.0319505	0.990371
XLOC_006708	RBM23	chr14:23369853-23388396	25.6475	26.2223	0.031977	0.987693
XLOC_011922	ZNF320	chr19:53379424-53394599	2.17635	2.22516	0.0319997	0.989365
XLOC_018840	STK38	chr6:36461668-36515247	5.44149	5.56366	0.0320331	0.989514
XLOC_010838	ACTN4	chr19:39138266-39235114	50.3031	51.4335	0.0320583	0.989268
XLOC_018930	ICK	chr6:52866097-52926600	2.036	2.08181	0.0320976	0.990324
XLOC_023706	EMD	chrX:153607596-15360988:	129.548	132.463	0.0321021	0.987693
XLOC_000370	UQCRH	chr1:46769379-46782447	897.511	917.717	0.0321207	0.987858
XLOC_004152	TP53I1	chr11:44785975-44972857	14.0969	14.4143	0.0321269	0.988154
XLOC_007324	HMG20A	chr15:77713242-77777945	6.9061	7.06186	0.0321759	0.988533
XLOC_001856	S100A2	chr1:153533584-15353830:	566.178	578.95	0.0321852	0.987858
XLOC_008913	ALDH3A2	chr17:19552063-19580908	8.22966	8.41547	0.0322112	0.988154
XLOC_000945	TROVE2	chr1:192981495-19306090:	5.66743	5.79562	0.0322697	0.995302
XLOC_003867	LOC100499227	chr11:119252487-1193699:	1.18637	1.21321	0.0322739	0.994615
XLOC_003323	IPO7	chr11:9406168-9469674	11.2237	11.4784	0.0323693	0.987693
XLOC_018396	CYB5R4	chr6:84569369-84670146	3.8617	3.94938	0.0323888	0.990857
XLOC_012479	PKP4	chr2:159313475-15953794:	8.27602	8.46406	0.0324127	0.988085
XLOC_008623	TPPP3	chr16:67423711-67427421	0.23039	0.235642	0.032519	1
XLOC_005149	ORAI1	chr12:122064454-1220799:	35.8402	36.6575	0.0325274	0.988742
XLOC_022296	FOCAD	chr9:20658308-20995954	2.06223	2.10929	0.0325482	0.98972
XLOC_015142	GNL3	chr3:52719935-52742197	63.2435	64.6865	0.0325485	0.991938
XLOC_005757	DIABLO	chr12:122692208-1227120:	42.5524	43.5282	0.0327119	0.988154
XLOC_022288	CCDC171	chr9:15553096-15971897	0.459417	0.469958	0.0327304	0.993285
XLOC_017290	CSNK1G3	chr5:122847792-12295273:	6.10211	6.24214	0.0327311	0.988657
XLOC_009300	SNHG16	chr17:74553845-74561430	127.085	130.004	0.0327701	0.988657
XLOC_023349	UBA1	chrX:47050198-47074527	95.5091	97.7133	0.0329174	0.987858
XLOC_005828	GTF3A	chr13:27998680-28024739	110.578	113.131	0.0329359	0.989365
XLOC_001432	TRIM62	chr1:33611002-33647671	3.08869	3.16003	0.0329451	0.990857
XLOC_009439	MED31	chr17:6481644-6554954	7.62317	7.79943	0.0329763	0.995957
XLOC_006366	KTN1	chr14:56046924-56151302	13.3101	13.6197	0.0331753	0.987858
XLOC_021534	HMBOX1	chr8:28747910-28910242	0.851481	0.871304	0.0332016	0.992797
XLOC_019009	USP45	chr6:99880183-99963252	1.10521	1.13094	0.0332064	0.990857
XLOC_002785	LARP4B	chr10:852853-977645	8.60681	8.80739	0.0332354	0.987693
XLOC_011355	SLC25A41	chr19:6426047-6433790	1.29842	1.32885	0.033415	0.99351
XLOC_009841	PPP1R9B	chr17:48211100-48227877	17.1517	17.5541	0.0334554	0.987858
XLOC_023670	MTMR1	chrX:149861868-14993357:	3.5114	3.59399	0.0335429	0.989748
XLOC_022441	WNK2	chr9:95947211-96108696	6.14916	6.29394	0.0335744	0.989201

XLOC_012519	CDCA7	chr2:174219560-174233711	19.327	19.7833	0.0336679	0.987693
XLOC_006191	STK24	chr13:99102454-99229396	34.4229	35.2364	0.0337012	0.987693
XLOC_023473	PIN4	chrX:71401525-71483814	11.7328	12.0105	0.0337509	0.991767
XLOC_013011	TGOLN2	chr2:85545140-85555419	14.5999	14.9458	0.0337816	0.987423
XLOC_000281	AGO1	chr1:36348809-36389899	3.25469	3.33207	0.0339001	0.988533
XLOC_013948	RBM39	chr20:34291530-34330258	44.2419	45.2938	0.0339011	0.987627
XLOC_011292	PLEKHJ1	chr19:2233154-2236328	109.484	112.091	0.0339504	0.987334
XLOC_007345	FAM108C1	chr15:80987651-81047962	9.11516	9.33227	0.0339609	0.988571
XLOC_013487	STK35	chr20:2082527-2129198	6.90187	7.06657	0.0340219	0.987693
XLOC_008369	SRRM2-AS1	chr16:2787076-2821413	0.288661	0.295571	0.0341294	1
XLOC_005796	ZNF605	chr12:133498018-13353285	1.46553	1.50063	0.034152	0.990315
XLOC_006451	EIF2B2	chr14:75469611-75476294	18.9608	19.4158	0.0342137	0.987693
XLOC_021527	SCARA3	chr8:27491576-27534286	12.2931	12.589	0.0343128	0.987693
XLOC_011807	KDELR1	chr19:48885826-48894810	288.134	295.07	0.0343167	0.987693
XLOC_023721	F8A1	chrX:154064063-154250991	7.1721	7.34522	0.0344098	0.99351
XLOC_020766	BPGM	chr7:134331530-134364567	4.48346	4.59172	0.0344211	0.990857
XLOC_013939	TRPC4AP	chr20:33543703-33680618	38.9175	39.8598	0.0345146	0.987334
XLOC_012111	BRE	chr2:28004265-28561767	33.3394	34.1501	0.0346641	0.987693
XLOC_014776	PATZ1	chr22:31721789-31742249	19.5692	20.0464	0.0347573	0.987693
XLOC_008713	MTFSD	chr16:86563781-86588841	5.24343	5.37146	0.0348019	0.988714
XLOC_018189	MICA	chr6:31367560-31383090	29.0108	29.7207	0.0348771	0.987053
XLOC_010531	ARHGEF18	chr19:7459998-7537371	9.27642	9.50368	0.0349189	0.987627
XLOC_000928	SMG7	chr1:183441505-183523321	8.67873	8.89171	0.0349764	0.987627
XLOC_020597	GTPBP10	chr7:89975978-90020769	3.63489	3.72421	0.0350221	0.987693
XLOC_004294	ATL3	chr11:63396436-63439083	10.6982	10.9626	0.0352232	0.987693
XLOC_016051	MECOM	chr3:168801286-169381561	2.0605	2.11145	0.0352379	0.989365
XLOC_016743	LNX1	chr4:54326436-54457753	0.086826	0.0889732	0.0352435	1
XLOC_008494	RABEP2	chr16:28889808-28936532	22.0793	22.6255	0.0352556	0.988571
XLOC_006408	MPP5	chr14:67708011-67802778	3.95489	4.05287	0.0353067	0.987693
XLOC_023074	HSPA5	chr9:127997126-128003661	255.578	261.913	0.0353203	0.987693
XLOC_011467	GADD45GIP1	chr19:13064969-13068068	226.224	231.835	0.0353437	0.987423
XLOC_023584	IL13RA1	chrX:117861558-117928491	7.44833	7.63309	0.0353516	0.987423
XLOC_014146	IL10RB	chr21:34638664-34669539	21.4795	22.0126	0.0353721	0.987235
XLOC_016827	HPSE	chr4:84213613-84256306	2.57436	2.6383	0.0353959	0.988714
XLOC_010684	FCHO1	chr19:17858526-17899377	7.88663	8.08256	0.0354031	0.987693
XLOC_016523	SMAD1	chr4:146402950-146480321	3.62109	3.71106	0.0354086	0.989365
XLOC_011362	GPR108	chr19:6729924-6737633	39.7386	40.7286	0.0355013	0.986822
XLOC_005350	C2CD5	chr12:22601517-22697452	4.04869	4.14987	0.0356112	0.987693
XLOC_009314	SYNGR2	chr17:76164670-76169009	104.289	106.896	0.0356151	0.986822
XLOC_000514	DR1	chr1:93811477-93828148	16.6359	17.0517	0.0356151	0.986822
XLOC_017375	PCDHB7	chr5:140552242-140555957	0.625255	0.640884	0.0356183	0.993379
XLOC_023203	ZMYND19	chr9:140476530-140484937	83.205	85.2857	0.0356345	0.986822
XLOC_002224	C1orf35	chr1:228288427-228291027	32.047	32.8492	0.035666	0.987693
XLOC_012353	NCK2	chr2:106361519-106510731	18.3204	18.7799	0.0357396	0.987858
XLOC_022018	PDE7A	chr8:66626568-66753969	1.86474	1.91152	0.0357449	0.987858
XLOC_011698	RABAC1	chr19:42460832-42463528	140.057	143.587	0.0359083	0.986822
XLOC_016174	WHSC1	chr4:1873122-1983934	12.8163	13.1394	0.0359207	0.987334
XLOC_015576	TAMM41	chr3:11831918-11888352	7.14656	7.32682	0.0359372	0.989365
XLOC_002749	ZRANB1	chr10:126630691-12667601	4.18182	4.28739	0.0359684	0.987627
XLOC_017737	LYSMD3	chr5:89811444-89825401	2.19964	2.25518	0.0359721	0.989922
XLOC_008773	ARRB2	chr17:4613788-4624795	96.3581	98.7918	0.0359851	0.986822
XLOC_012204	MDH1	chr2:63348534-63834330	97.6353	100.104	0.0360213	0.987423
XLOC_004839	SMARCD1	chr12:50478982-50494494	22.9589	23.5398	0.0360506	0.986822
XLOC_010094	NDC80	chr18:2571509-2616634	11.1002	11.3813	0.0360831	0.987693
XLOC_008178	FAM65A	chr16:67562716-67580691	19.8633	20.3664	0.0360905	0.986725
XLOC_006125	KPNA3	chr13:50273442-50367057	6.95627	7.13281	0.0361556	0.986822
XLOC_015757	BAP1	chr3:52435024-52444009	24.0283	24.6381	0.0361587	0.986822
XLOC_021787	GRINA	chr8:145064225-145067583	345.483	354.255	0.0361725	0.986822
XLOC_002279	ADSS	chr1:244571793-244615431	10.1494	10.4073	0.0361903	0.986822
XLOC_005011	METTL25	chr12:82746082-82873016	0.584565	0.599427	0.0362204	0.997036
XLOC_024016	ACSL4	chrX:108884563-10897662	9.47146	9.71255	0.0362632	0.986822
XLOC_014221	COL18A1	chr21:46825096-46933634	2.84127	2.91368	0.0363075	0.989344
XLOC_010989	LOC100505812	chr19:48711342-48761450	1.69985	1.74336	0.0364621	0.994615
XLOC_020830	ARHGEF5	chr7:144052488-144077721	3.92805	4.02864	0.0364805	0.987693
XLOC_015583	NUP210	chr3:13357736-13461809	15.4316	15.8274	0.0365388	0.986822
XLOC_009976	WBP2	chr17:73841779-73851501	137.876	141.416	0.0365786	0.986822
XLOC_012317	CNNM3	chr2:97481990-97501121	7.56779	7.76266	0.0366781	0.987423
XLOC_018547	TAB2	chr6:149639435-149732747	8.66944	8.89276	0.0366924	0.98655
XLOC_020546	LIMK1	chr7:73498106-73536855	20.8759	21.414	0.036715	0.986822
XLOC_002973	PPA1	chr10:71962585-71993190	183.775	188.514	0.0367281	0.986725
XLOC_001121	LGALS8	chr1:236681513-236767847	7.42027	7.61194	0.0367939	0.991767
XLOC_013039	MRPS5	chr2:95752951-95787754	38.4656	39.4594	0.0368022	0.986822
XLOC_000499	LRRC8C	chr1:90098643-90185094	4.1123	4.21878	0.0368791	0.986822
XLOC_000085	FBXO6	chr1:11724149-11734409	16.9426	17.3815	0.0369015	0.987693
XLOC_020420	DPY19L2P3	chr7:29685537-29727859	0.229452	0.2354	0.0369216	1
XLOC_015364	FAIM	chr3:138327541-138352211	6.4963	6.66497	0.0369796	0.989869
XLOC_0011972	ISOC2	chr19:55964345-55973049	84.949	87.1551	0.0369886	0.986822
XLOC_002330	FBXO18	chr10:5903688-5979558	20.2719	20.7987	0.0370159	0.987693
XLOC_023828	SLC9A7	chrX:46458685-46618607	4.77878	4.90327	0.0371005	0.986822

XLOC_016682	PROM1	chr4:15969848-16085623	0.0162834	0.0167076	0.0371059	1
XLOC_009348	LRRCC45	chr17:79981279-79989027	9.81219	10.068	0.0371257	0.988657
XLOC_010176	C18orf21	chr18:33552587-33559250	19.9783	20.4995	0.0371611	0.987693
XLOC_023685	NSDHL	chrX:151999510-15203790	23.8287	24.451	0.0371947	0.986822
XLOC_010222	PMAIP1	chr18:57567191-57571538	11.8554	12.1654	0.0372332	0.987858
XLOC_008396	NMRAL1	chr16:4511694-4560348	38.3442	39.3492	0.0373258	0.991767
XLOC_012503	UBR3	chr2:170684017-17094063	1.76551	1.81187	0.0373966	0.987693
XLOC_012224	GMCL1	chr2:70056817-70106727	1.67885	1.72297	0.037422	0.990857
XLOC_018351	TMEM14A	chr6:52535883-52551385	24.0536	24.6864	0.0374618	0.987627
XLOC_023261	PRPS2	chrX:12809473-12842346	27.7698	28.5009	0.037495	0.986822
XLOC_011268	MED16	chr19:867961-893218	28.872	29.6322	0.0374973	0.986822
XLOC_018038	RREB1	chr6:7107829-7252213	2.79322	2.86683	0.0375296	0.987423
XLOC_004447	ME3	chr11:86152149-86383678	9.18063	9.42292	0.037581	0.987693
XLOC_022147	RAD21	chr8:117858172-117889107	59.1308	60.6938	0.03764	0.98655
XLOC_006356	GPR137C	chr14:53019865-53104431	0.10081	0.103476	0.0376603	1
XLOC_006214	EFNB2	chr13:107142078-1071873	1.21142	1.24356	0.0377756	0.990315
XLOC_017510	NSD1	chr5:176560079-17672721	2.00415	2.05741	0.0378371	0.986822
XLOC_014618	FAM118A	chr22:45705080-45737836	5.48238	5.62833	0.037905	0.987627
XLOC_005356	KRAS	chr12:25358179-25403854	4.69783	4.82294	0.0379184	0.986822
XLOC_016338	LOC550112	chr4:68566995-6858222	6.3814	6.5514	0.037929	0.987858
XLOC_004359	CDK2AP2	chr11:67273960-67276199	51.1843	52.5489	0.0379588	0.986822
XLOC_012558	ASNSD1	chr2:190526124-190535557	16.5024	16.9432	0.0380342	0.985762
XLOC_000906	TOR3A	chr1:179051111-17906512	18.7324	19.2331	0.0380545	0.986822
XLOC_021043	H2AFV	chr7:44866487-44887725	42.444	43.5795	0.0380875	0.987693
XLOC_015478	VWA5B2	chr3:183948316-183967313	3.14787	3.2321	0.0380996	0.996079
XLOC_009259	C17orf80	chr17:71228775-71258019	2.87261	2.94969	0.0381986	0.987693
XLOC_013610	ZNF341	chr20:32319807-32380075	1.7147	1.76079	0.0382701	0.990857
XLOC_016170	UVSSA	chr4:1341103-1381837	1.02511	1.0527	0.0383039	0.991351
XLOC_017810	SKP1	chr5:133492081-13351272	107.887	110.791	0.0383289	0.985782
XLOC_014014	ZMYND8	chr20:45838380-45985474	2.1101	2.16697	0.0383642	0.988571
XLOC_014684	TRMT2A	chr22:20067754-20104818	15.7082	16.133	0.0384954	0.990324
XLOC_010634	IL27RA	chr19:14142551-14163717	9.04917	9.29389	0.0384971	0.987432
XLOC_011088	ZNF808	chr19:53030908-53059303	0.454941	0.467252	0.0385195	0.992651
XLOC_007772	KIF7	chr15:90118817-90198682	7.97967	8.19583	0.038561	0.991351
XLOC_004367	UNC93B1	chr11:67758574-67771593	34.1263	35.0559	0.0387707	0.986589
XLOC_009357	FN3KRP	chr17:80674581-80685893	14.8743	15.2795	0.0387814	0.986822
XLOC_002933	PARG	chr10:51026324-51371331	3.80452	3.90821	0.0387928	0.988142
XLOC_013964	LOC388796	chr20:37049238-37064018	123.803	127.179	0.038813	0.984917
XLOC_014999	GPDI1	chr3:32148002-32210207	2.95311	3.03364	0.0388138	0.987693
XLOC_015966	STAG1	chr3:136055998-13647124	3.41405	3.50739	0.0389135	0.986822
XLOC_022321	UBAP1	chr9:34179002-34329198	20.3565	20.9142	0.0389899	0.986353
XLOC_017438	LARP1	chr5:154092461-15419716	23.8738	24.5282	0.0390099	0.985921
XLOC_004020	TRIM5	chr11:5684424-5706339	2.30486	2.36811	0.0390537	0.988571
XLOC_015146	SPCS1	chr3:52719935-52742197	161.025	165.447	0.0390812	0.991767
XLOC_016156	IQQC	chr3:197615945-19768688	10.2703	10.5525	0.0391009	0.998526
XLOC_012807	LAPTM4A	chr2:20232410-20251789	92.3749	94.9169	0.0391642	0.984917
XLOC_009819	HOXB6	chr17:46667822-46683774	5.75896	5.91757	0.0391962	0.991767
XLOC_002149	RAB7L1	chr1:205737113-20574461	8.35924	8.58975	0.0392437	0.986822
XLOC_001457	SNIP1	chr1:38000049-38019945	3.95132	4.06051	0.0393257	0.986822
XLOC_002725	INPP5F	chr10:121485558-1215886	4.95143	5.08832	0.0393444	0.991767
XLOC_005407	HDAC7	chr12:48166966-48213763	17.4536	17.9362	0.0393511	0.988154
XLOC_003091	CHUK	chr10:101948123-1019893	3.08731	3.1727	0.0393586	0.987693
XLOC_009972	ASB16-AS1	chr17:42248073-42264085	5.13058	5.27268	0.0394162	0.990795
XLOC_004644	ERC1	chr12:1100403-1605099	2.38339	2.4495	0.0394745	0.986822
XLOC_020905	SNX8	chr7:2291404-2354099	15.7286	16.165	0.039487	0.984917
XLOC_022868	CBWD3,CBWD5	chr9:70431999-70490177	1.72537	1.77326	0.0395032	0.990967
XLOC_002189	BPNT1	chr1:220046618-22032138	8.89809	9.14528	0.0395318	0.996453
XLOC_009566	POLDIP2	chr17:26662547-26684603	55.3219	56.8617	0.039605	0.987334
XLOC_003088	DNMBP	chr10:101635333-10176967	1.65838	1.70465	0.0397013	0.987627
XLOC_015136	GLYCTK	chr3:52321835-52329272	8.6814	8.92367	0.0397086	0.988165
XLOC_018013	TRIM7	chr5:180620923-180632177	13.2704	13.6409	0.0397236	0.989729
XLOC_016201	MAN2B2	chr4:6576901-6624188	10.6141	10.9106	0.0397417	0.986353
XLOC_023436	LOC550643	chrX:56755717-56844004	87.4644	89.9104	0.0397919	0.984917
XLOC_012992	CCDC142,MRPL53	chr2:74699084-74721691	100.177	102.981	0.0398309	0.989719
XLOC_007276	KIF23	chr15:69706626-69740764	10.6281	10.9261	0.0398942	0.984917
XLOC_000156	PINK1	chr1:20959947-20978004	19.2711	19.8117	0.039919	0.985802
XLOC_015961	RYK	chr3:133875977-13396958	17.7272	18.2246	0.0399192	0.984692
XLOC_020978	HOXA5	chr7:27179982-27196296	8.89982	9.14957	0.0399291	0.99316
XLOC_002648	C10orf2	chr10:102747292-1027541	19.9935	20.5555	0.0399933	0.986725
XLOC_012283	PTCD3	chr2:86333304-86369280	10.1542	10.4397	0.0400018	0.984917
XLOC_009280	MRPS7	chr17:73232693-73267311	41.02	42.1735	0.0400083	0.990324
XLOC_016713	UGDH	chr4:39500374-39529218	6.61595	6.80209	0.0400299	0.986822
XLOC_012643	CTDSP1	chr2:219263060-21927066	46.9652	48.287	0.0400419	0.984917
XLOC_020331	SUN1	chr7:855193-914557	16.4249	16.8873	0.0400596	0.984917
XLOC_012650	TTL4	chr2:219575567-21962013	6.31849	6.49665	0.0401158	0.985921
XLOC_000346	DMAP1	chr1:44679124-44686351	16.3678	16.8309	0.0402478	0.986822
XLOC_000248	KHDRBS1	chr1:32479294-32526460	86.409	88.8536	0.0402495	0.983952
XLOC_007936	ATFF1P2	chr16:10479911-10577495	1.49699	1.53934	0.0402928	0.989514
XLOC_014421	ZNF74	chr22:20748404-20762753	7.67926	7.89751	0.0404312	0.986559

XLOC_019163	SOD2	chr6:160100148-160114353	31.8984	32.8076	0.0405452	0.985921
XLOC_011765	DMWD	chr19:46286263-46296060	10.2216	10.5131	0.0405614	0.986529
XLOC_006922	SEL1L	chr14:81937890-82000205	4.24081	4.36177	0.0405757	0.984917
XLOC_016486	LOC645513	chr4:120375937-120549981	2.15597	2.21748	0.0405821	0.994615
XLOC_014523	FBXO7	chr22:32870706-32894818	69.3225	71.3007	0.0405935	0.983594
XLOC_010143	MIB1	chr18:19321544-19450912	1.92244	1.97741	0.0406713	0.986529
XLOC_014008	ELMO2	chr20:44994689-45035271	4.51109	4.6401	0.04068	0.986822
XLOC_018514	MYB	chr6:135502452-135540311	1.17044	1.20396	0.0407383	0.990324
XLOC_017399	RBM27	chr5:145583162-145668784	2.79176	2.87173	0.0407467	0.986353
XLOC_005565	GNS	chr12:65107221-65153226	9.52984	9.80353	0.0408489	0.984917
XLOC_012576	C2orf69	chr2:200775978-200792996	4.10771	4.22568	0.0408513	0.986822
XLOC_013431	MSL3P1	chr2:234774089-234777051	4.85061	4.98998	0.0408682	0.987693
XLOC_018313	ABCC10	chr6:43395291-43423786	1.92433	1.97962	0.0408705	0.988165
XLOC_023169	NOTCH1	chr9:139388895-139440231	7.01532	7.21708	0.0409049	0.98439
XLOC_015149	PRKCD	chr3:53195222-53226733	14.0197	14.4234	0.0409595	0.984917
XLOC_011851	VRK3	chr19:50479723-50528805	11.7517	12.0903	0.0409781	0.985921
XLOC_015043	VIPR1	chr3:42530790-42579065	0.791147	0.813973	0.0410346	0.992109
XLOC_017709	AP3B1	chr5:77298149-77590579	5.67107	5.83512	0.041141	0.984917
XLOC_018256	PPARD	chr6:35310334-35395968	10.9173	11.2338	0.0412228	0.985154
XLOC_011407	FBXL12	chr19:9920942-9929731	12.8522	13.2251	0.0412675	0.986822
XLOC_004412	ARRB1	chr11:74971165-75062875	4.68772	4.82404	0.0413572	0.984479
XLOC_000236	GMEB1	chr1:28995239-29042115	1.6958	1.74513	0.0413681	0.989268
XLOC_002525	KAT6B	chr10:76586170-76792380	1.13011	1.16304	0.0414334	0.987693
XLOC_001416	BAI2	chr1:32192717-32229648	2.98068	3.06754	0.0414382	0.987627
XLOC_018571	SNX9	chr6:158244293-158366101	11.8627	12.2085	0.0414596	0.984692
XLOC_005139	DYNLL1	chr12:120907659-12093621	298.254	306.957	0.0414932	0.984318
XLOC_014005	NCOA5	chr20:44689625-44718580	10.1069	10.4018	0.0414939	0.985325
XLOC_017214	ZFYVE16	chr5:79703837-79775498	1.34943	1.38895	0.0416443	0.987334
XLOC_006863	PIGH	chr14:68000007-68067017	16.0333	16.503	0.041653	0.987693
XLOC_017659	PPAP2A	chr5:54603575-54830873	10.1921	10.4911	0.041712	0.99351
XLOC_009319	C1QTNF1	chr17:77015290-77045870	10.8456	11.1643	0.0417767	0.985921
XLOC_005391	TWF1	chr12:44187525-44200178	27.4243	28.2315	0.0418535	0.983286
XLOC_022926	AUH	chr9:93976096-94124206	7.62347	7.84884	0.0420309	0.986822
XLOC_018773	LSM2	chr6:31765168-31774761	111.517	114.823	0.0421516	0.983594
XLOC_009967	MIF4GD	chr17:73232693-73267311	26.0587	26.8317	0.0421758	0.993379
XLOC_009565	IFT20	chr17:26646120-26662515	27.3409	28.1526	0.0422044	0.993441
XLOC_009340	HGS	chr17:79650961-79669151	84.4649	86.9723	0.0422053	0.98297
XLOC_018738	HCG18	chr6:30201815-30314635	1.37218	1.41296	0.0422449	0.993907
XLOC_006813	GNPNAT1	chr14:53241910-53258386	20.077	20.6745	0.0423089	0.98297
XLOC_003785	KIAA1377	chr11:101761404-10187171	0.0774586	0.079765	0.042329	1
XLOC_005331	WBP11	chr12:14939411-14956401	26.6381	27.4318	0.0423585	0.984033
XLOC_022618	NUP214	chr9:134000980-134109091	7.82558	8.05895	0.0423947	0.98468
XLOC_007114	ARHGAP11B	chr15:30918878-30931013	0.899454	0.926282	0.042402	0.99351
XLOC_008813	TNK1	chr17:7284292-7307450	10.1952	10.4993	0.0424072	0.994615
XLOC_018171	PRR3	chr6:30509154-30532473	5.29808	5.45616	0.0424159	0.994615
XLOC_006094	MTRF1	chr13:41790515-41837713	2.59271	2.67012	0.0424423	0.987693
XLOC_022612	FUBP3	chr9:133454959-133513731	19.9889	20.587	0.042538	0.98298
XLOC_016705	RELL1	chr4:37455551-37687999	6.30013	6.48868	0.0425436	0.984917
XLOC_021252	EFCAB10	chr7:105172531-105221971	0.662681	0.682531	0.0425805	0.952371
XLOC_003340	ARNTL	chr11:13299324-13408812	4.30542	4.43449	0.0426135	0.986822
XLOC_000852	UCK2	chr1:165796731-165880851	22.9638	23.6528	0.0426532	0.986822
XLOC_003029	GLUD1	chr10:88809958-88854776	38.8673	40.0338	0.042662	0.9839
XLOC_021230	RABL5	chr7:100956647-100965091	7.60427	7.83256	0.0426744	0.985982
XLOC_009604	COPRS	chr17:30178883-30186326	115.142	118.601	0.0427122	0.982703
XLOC_007322	RCN2	chr15:77223961-77242601	25.2686	26.0287	0.0427592	0.982256
XLOC_023000	EPB41L4B	chr9:111934253-112083021	4.81571	4.96063	0.0427752	0.985283
XLOC_008589	CIAPIN1	chr16:57462086-57495187	24.3818	25.1156	0.0427816	0.988657
XLOC_002242	C1orf131	chr1:231359508-231413711	5.50888	5.67485	0.0428229	0.994553
XLOC_001883	KRTCAP2	chr1:155141883-155145801	355.492	366.211	0.0428582	0.982123
XLOC_023444	YIPF6	chrX:67718623-67757127	4.73516	4.8781	0.0429063	0.983952
XLOC_009648	SRCIN1	chr17:36686258-36762183	0.483435	0.498039	0.0429383	0.990857
XLOC_010742	POP4	chr19:30097169-30108162	13.4683	13.8757	0.0429839	0.984917
XLOC_021141	PCLO	chr7:82383320-82792197	0.0171406	0.01766	0.0430656	1
XLOC_012410	RALB	chr2:121010413-121052281	19.4617	20.0524	0.0431328	0.982703
XLOC_012279	USP39	chr2:85829964-85876407	32.0744	33.0485	0.0431609	0.986353
XLOC_011281	UQCR11	chr19:1597153-1605483	80.9718	83.4316	0.0431752	0.982782
XLOC_001061	MARC2	chr1:220921675-220957591	4.89196	5.0406	0.0431831	0.987627
XLOC_021967	TM2D2	chr8:38846326-38854041	8.62451	8.88691	0.0432391	0.98468
XLOC_012442	C2orf27A	chr2:132480063-132524971	0.495019	0.510106	0.0433158	0.994615
XLOC_007409	UNC45A	chr15:91473409-91497323	33.6322	34.6573	0.0433159	0.984917
XLOC_001577	MYSM1	chr1:59120410-59165747	1.38842	1.43077	0.0433507	0.986529
XLOC_001753	NOTCH2	chr1:120454175-120612311	4.43405	4.56934	0.0433619	0.982629
XLOC_017469	SPDL1	chr5:169010637-169031781	3.27113	3.37109	0.0434258	0.986822
XLOC_014873	TTL12	chr22:43562627-43583137	54.3226	55.9827	0.0434268	0.982043
XLOC_018664	GPLD1	chr6:24426061-24489850	0.332326	0.34249	0.0434616	1
XLOC_017004	FBXO8	chr4:175157809-175254531	3.9242	4.0444	0.0435255	0.990857
XLOC_006315	NUBPL	chr14:32030590-32330429	1.50638	1.55255	0.043551	0.987693
XLOC_0011579	UQCRCF51	chr19:29698166-29704136	126.252	130.125	0.0435948	0.982349
XLOC_022306	IFT74	chr9:26903367-27062931	2.75838	2.84314	0.0436647	0.994615

XLOC_016434	SMARCAD1	chr4:95128758-95212443	2.24761	2.31668	0.0436652	0.986822
XLOC_002203	TP53BP2	chr1:223967594-224033674	11.2057	11.5504	0.0437113	0.982412
XLOC_011347	NDUFA11	chr19:5891286-5904024	471.286	485.792	0.0437331	0.981606
XLOC_006274	ABHD4	chr14:23067146-23081265	8.27484	8.52979	0.0437797	0.984917
XLOC_013106	ZC3H8	chr2:112973438-113012664	9.72108	10.0206	0.0437868	0.984782
XLOC_000826	TOMM40L	chr1:161195832-161208000	8.93237	9.20775	0.0438052	0.985094
XLOC_010334	RPRD1A	chr18:33569791-33647373	9.81874	10.1218	0.0438623	0.981485
XLOC_008428	CPPED1	chr16:12753655-12897744	1.27489	1.31428	0.0438949	0.986822
XLOC_004326	MAP3K11	chr11:65365225-65381720	19.5105	20.114	0.0439488	0.982599
XLOC_016770	YTHDC1	chr4:69176104-69215824	5.30277	5.4669	0.0439753	0.982792
XLOC_010713	MAU2	chr19:19431629-19469563	6.91546	7.12967	0.0440109	0.98469
XLOC_009315	AFMID	chr17:76183397-76203782	18.6058	19.1822	0.044019	0.986353
XLOC_023008	KIAA0368	chr9:114122972-114247025	18.0943	18.6551	0.0440332	0.982803
XLOC_020695	CBLL1	chr7:107384278-107402083	6.01003	6.19639	0.0440577	0.983594
XLOC_001198	CPSP3L	chr1:1243993-1260067	76.9329	79.3223	0.0441242	0.984917
XLOC_014320	HLCS	chr21:38123188-38362545	2.77897	2.86538	0.0441715	0.984967
XLOC_009956	NAT9	chr17:72766685-72772470	27.0244	27.8648	0.0441846	0.981044
XLOC_021572	POLB	chr8:42195972-42229331	23.4617	24.1923	0.0442463	0.983952
XLOC_008309	GAS8	chr16:90089007-90114191	4.45829	4.59745	0.0443434	0.986822
XLOC_006467	GSTZ1	chr14:77787229-77797940	24.5084	25.2736	0.044354	0.98387
XLOC_021462	MTMR9	chr8:11141999-11185654	1.30848	1.34938	0.0444029	0.986822
XLOC_003592	PRDX5	chr11:64085559-64089295	378.205	390.033	0.0444283	0.982336
XLOC_021609	YTHDF3	chr8:64081120-64125346	7.67243	7.91259	0.0444668	0.982113
XLOC_015159	FLNB	chr3:57994126-58157982	9.51707	9.81502	0.0444735	0.980556
XLOC_003636	SFB2	chr11:65819815-65836382	85.052	87.7153	0.0444844	0.981753
XLOC_010618	CALR	chr19:13049413-13055304	501.473	517.179	0.0444929	0.982698
XLOC_008307	DEF8	chr16:90015138-90034468	43.7409	45.1127	0.0445504	0.988165
XLOC_011578	LINC00662	chr19:28281400-28284848	0.763285	0.787239	0.0445807	0.991767
XLOC_022978	ERP44	chr9:102741462-102861330	16.993	17.527	0.0446315	0.980559
XLOC_005512	CD63	chr12:56119226-56123457	615.954	635.351	0.0447311	0.981753
XLOC_009386	SMG6	chr17:1963132-2207069	11.8019	12.1739	0.0447637	0.982937
XLOC_012585	CFLAR	chr2:201980876-202037411	3.59925	3.71269	0.0447687	0.993379
XLOC_014184	MX1	chr21:42792519-42831141	7.61675	7.85685	0.0447757	0.98468
XLOC_002595	KIF11	chr10:94352824-94415152	8.64999	8.92288	0.0448101	0.980556
XLOC_015357	NCK1	chr3:136581049-136667968	6.52083	6.72661	0.0448238	0.985921
XLOC_005422	DDX23	chr12:49223538-49245957	21.3805	22.0553	0.044831	0.981044
XLOC_010200	ME2	chr18:48405431-48476162	14.1832	14.6313	0.0448664	0.98066
XLOC_023724	VBP1	chrX:154444700-154468091	28.3235	29.2182	0.044867	0.981044
XLOC_014506	SLC35E4	chr22:31031792-31043862	10.8403	11.1829	0.0448834	0.984917
XLOC_016099	DGKG	chr3:185864989-186080023	2.17995	2.24884	0.0448869	0.985325
XLOC_010773	GRAMD1A	chr19:35491245-35517373	74.7995	77.1666	0.0449469	0.981044
XLOC_014510	TUG1	chr22:31365633-31375380	8.04104	8.29556	0.0449568	0.981044
XLOC_022783	APTX	chr9:32972603-33001639	17.298	17.846	0.0449937	0.982599
XLOC_001852	S100A6	chr1:153507075-153508717	2261.55	2333.21	0.0449991	0.982156
XLOC_018934	GCLC	chr6:53362139-53409927	6.31544	6.51584	0.045068	0.982703
XLOC_001087	ARF1	chr1:228270360-228286913	293.74	303.089	0.0451982	0.981044
XLOC_017055	EXOC3	chr5:443333-467409	12.2982	12.69	0.0452442	0.982596
XLOC_006513	GLRX5	chr14:96001322-96011055	49.436	51.0116	0.0452635	0.981044
XLOC_024044	NKAPP1	chrX:119370308-119379123	0.454751	0.469269	0.0453382	0.991767
XLOC_021771	THEM6	chr8:143808620-143818350	82.0251	84.6445	0.0453503	0.980559
XLOC_002668	SUFU	chr10:104263718-104393217	4.16494	4.29796	0.0453583	0.985921
XLOC_018139	ZKSCAN8	chr6:28109715-28125236	0.251871	0.259925	0.0454103	1
XLOC_023153	C9orf116	chr9:138387025-138391763	20.4106	21.0634	0.0454242	0.986822
XLOC_006215	ARGLU1	chr13:107195661-107220517	36.6133	37.7867	0.0455098	0.980556
XLOC_014811	CARD10	chr22:37886399-37915210	7.92321	8.17716	0.0455152	0.98468
XLOC_008263	KLHL36	chr16:84682130-84695916	11.4012	11.7667	0.0455214	0.985921
XLOC_023082	PTRH1	chr9:130469270-130477936	68.8169	71.0244	0.0455535	0.982599
XLOC_021603	RAB2A	chr8:61429468-61536203	25.7961	26.6238	0.045562	0.981044
XLOC_013312	TMEM237	chr2:202484906-202508253	3.63768	3.7544	0.0455632	0.982497
XLOC_015811	UBA3	chr3:69103880-69129524	14.4586	14.9226	0.0455739	0.981044
XLOC_009670	MED24	chr17:38175349-38210889	21.9029	22.6061	0.0455901	0.981753
XLOC_017182	PTCD2	chr5:71616199-71655180	2.35809	2.43383	0.0456124	0.987693
XLOC_016265	ANAPC4	chr4:25378847-25420120	5.76242	5.94759	0.0456298	0.984917
XLOC_016406	ENOPH1	chr4:83351725-83382244	18.8404	19.4475	0.0457571	0.980556
XLOC_010450	C19orf24	chr19:1275519-1279243	118.304	122.121	0.0458094	0.980317
XLOC_018168	HLA-L	chr6:30201815-30314635	0.015831	0.0163424	0.0458641	1
XLOC_021386	ZNF777	chr7:149128453-149158053	15.2795	15.7732	0.045871	0.981843
XLOC_021427	FBXO25	chr8:356807-419875	16.1514	16.6738	0.0459209	0.980556
XLOC_016632	SLBP	chr4:1694526-1714030	47.4786	49.018	0.0460343	0.979875
XLOC_016191	ADRA2C	chr4:3768295-3770253	16.3658	16.8972	0.0461046	0.984917
XLOC_023009	PTGR1	chr9:114287446-114362133	74.5161	76.941	0.0462015	0.980704
XLOC_006520	GSKIP	chr14:96829788-96853627	5.09484	5.26159	0.0464643	0.984917
XLOC_014715	GUSBP11	chr22:23980674-24059610	3.90174	4.02947	0.0464706	0.985921
XLOC_021678	DPY19L4	chr8:95732102-95806076	4.24145	4.38038	0.0465	0.980973
XLOC_002546	FAM213A	chr10:82167584-82192753	17.5102	18.0845	0.0465648	0.981044
XLOC_006525	CCNK	chr14:99947738-100070723	18.4828	19.0893	0.0465815	0.989748
XLOC_013891	CS3	chr20:23614293-23618574	234.091	241.777	0.0466078	0.979733
XLOC_014778	PISD	chr22:31892124-32026810	21.9577	22.6795	0.0466608	0.985921
XLOC_013779	ARFGAP1	chr20:61904164-61921142	29.4734	30.4429	0.0466937	0.979701

XLOC_017355	CYSTM1	chr5:139554652-139623374	85.017	87.8158	0.0467286	0.979733
XLOC_012501	KLHL23,PHOSPHO2,PHOS	chr2:170550963-170608396	6.73817	6.96035	0.0468037	0.986822
XLOC_007706	ETFA	chr15:76508628-76603810	101.842	105.205	0.0468696	0.979701
XLOC_015448	ECT2	chr3:172468474-172539264	9.87544	10.2017	0.0468938	0.979875
XLOC_010123	IMPA2	chr18:11981426-12030885	29.218	30.1838	0.0469156	0.982349
XLOC_015432	NMD3	chr3:160939098-160969798	11.7295	12.1178	0.0469865	0.980177
XLOC_000383	CMPK1	chr1:47799468-47844511	27.5593	28.4717	0.0469921	0.979733
XLOC_011705	ERF	chr19:42751716-42759309	25.7245	26.5779	0.0470864	0.98038
XLOC_001105	SPR1N	chr1:231473681-231490768	1.71069	1.7675	0.0471346	0.987411
XLOC_005687	KCTD10	chr12:109886459-10991518	10.7694	11.1271	0.0471362	0.979917
XLOC_011339	SAFB2	chr19:5587009-5622938	12.4288	12.8416	0.0471393	0.981044
XLOC_011414	ZGLP1	chr19:10415478-10420233	1.78821	1.84763	0.0471575	0.990324
XLOC_023274	CA5BP1	chrX:15693038-15721474	11.7074	12.0964	0.0471631	0.986822
XLOC_001393	DNAJC8	chr1:28526789-28559542	82.0815	84.8097	0.0471728	0.979701
XLOC_001419	PTPA4A2	chr1:32372021-32403988	44.4723	45.9515	0.0472046	0.980556
XLOC_001264	EXOSC10	chr1:11126675-11159938	22.1293	22.8656	0.047222	0.979944
XLOC_010693	PIK3R2	chr19:18263987-18281343	27.6927	28.6184	0.047437	0.979733
XLOC_001748	ZNF697	chr1:120161999-120190390	1.75871	1.8175	0.047438	0.986822
XLOC_003050	FGFBP3	chr10:93666344-93669258	1.95782	2.0233	0.0474654	0.987693
XLOC_008485	XPO6	chr16:28109297-28223239	32.0837	33.1573	0.0474886	0.979701
XLOC_017106	SKP2	chr5:36152144-36184142	8.59934	8.88731	0.0475213	0.988019
XLOC_015352	CEP63	chr3:134196545-134293858	1.7983	1.85852	0.0475261	0.995528
XLOC_017813	CDKN2AIPNL	chr5:133737755-133747598	30.9771	32.0155	0.0475675	0.979944
XLOC_000365	TMEM69	chr1:46153846-46216485	39.5565	40.8828	0.0475762	0.980556
XLOC_012816	SFB314	chr2:24290453-24299314	250.302	258.713	0.0476826	0.979733
XLOC_007260	MAP2K1	chr15:66679210-66790146	45.2756	46.7979	0.0477101	0.979814
XLOC_008043	INO80E	chr16:30007530-30022401	66.1214	68.3516	0.0478569	0.984917
XLOC_022979	TEX10	chr9:103064356-103115258	34.1583	35.3106	0.0478654	0.979701
XLOC_010115	RALBP1	chr18:9475529-9538106	15.8036	16.3375	0.0479347	0.979701
XLOC_003408	C11orf74	chr11:36613492-36680817	10.0512	10.3911	0.0479848	0.985921
XLOC_003219	IFITM2	chr11:308106-309410	556.492	575.34	0.0480544	0.979906
XLOC_008726	APRT	chr16:88875876-88878342	229.045	236.805	0.0480648	0.979701
XLOC_002730	WDR11	chr10:122216465-12280688	3.86554	3.9966	0.0481033	0.981044
XLOC_021860	PINX1	chr8:10622883-10697299	12.8286	13.2637	0.0481172	0.98439
XLOC_004061	TMEM9B	chr11:8968839-8985989	16.4579	17.0169	0.0481898	0.980903
XLOC_008928	NLK	chr17:26369687-26523404	2.60916	2.69799	0.0483002	0.984772
XLOC_002858	YME1L1	chr10:27399039-27443349	25.6933	26.5682	0.0483114	0.979701
XLOC_002375	MLLT10	chr10:21823100-22032559	8.74573	9.04373	0.0483391	0.988571
XLOC_021313	ZC3HC1	chr7:129658125-129691233	19.0332	19.6818	0.0483465	0.979733
XLOC_001542	TTC39A	chr1:51752929-51810785	4.65809	4.81695	0.0483817	0.984917
XLOC_010120	NAPG	chr18:10525872-10552766	4.33749	4.48553	0.0484162	0.981044
XLOC_015751	POCIA	chr3:52109248-52188706	17.2447	17.8335	0.0484318	0.980556
XLOC_018814	CUTA	chr6:33384318-33386065	315.119	325.879	0.0484423	0.979701
XLOC_006637	TRAF3	chr14:103243815-10337783	3.78349	3.91292	0.0485271	0.980556
XLOC_006832	C14orf37	chr14:58470807-58618847	1.21535	1.25693	0.0485297	0.987693
XLOC_018801	PSMB8	chr6:32808493-32821748	59.313	61.3436	0.0485644	0.990315
XLOC_002791	PITRM1	chr10:3177918-3215033	22.8237	23.6056	0.0485922	0.979733
XLOC_011806	TMEM143	chr19:48835615-48867186	2.78959	2.88519	0.0486135	0.987693
XLOC_021762	CHRAC1	chr8:141521396-141527258	30.8146	31.8713	0.0486422	0.979733
XLOC_002521	ZSWIM8	chr10:75545381-75561556	4.80375	4.96851	0.0486522	0.982907
XLOC_017656	MCIN	chr5:54515424-54523143	1.6351	1.6912	0.0486734	0.989365
XLOC_010611	WDR83	chr19:12777617-12792701	14.2518	14.7409	0.0486793	0.995957
XLOC_022830	RNF38	chr9:36336398-36401195	3.08953	3.19567	0.0487312	0.981753
XLOC_016919	CCNA2	chr4:122722471-122745088	19.2237	19.8841	0.0487338	0.985921
XLOC_021595	LYN	chr8:56792385-56925006	10.698	11.0657	0.0487537	0.979701
XLOC_008483	GTF3C1	chr16:27471933-27561251	6.60647	6.83407	0.048865	0.979733
XLOC_015873	C3orf17	chr3:112721291-112738558	9.25339	9.57239	0.0488979	0.979701
XLOC_008598	CNOT1	chr16:58549382-58663790	15.8745	16.4218	0.0489045	0.980108
XLOC_018604	C6orf70	chr6:170151720-170181617	7.37988	7.63438	0.0489137	0.982156
XLOC_015282	NDUFB4	chr3:120315127-120321258	269.96	279.27	0.0489152	0.979701
XLOC_012543	SSFA2	chr2:182756471-182795464	6.32418	6.54289	0.0490501	0.979701
XLOC_017966	GPRIN1	chr5:176022802-176037137	5.74856	5.94737	0.0490505	0.981044
XLOC_012938	WDPCP	chr2:63348534-63834330	0.446401	0.461844	0.0490628	0.991767
XLOC_008995	AP2B1	chr17:33914281-34053436	44.8028	46.353	0.0490743	0.979701
XLOC_013062	MGAT4A	chr2:99235568-99347589	1.06735	1.10433	0.0491413	0.987693
XLOC_003264	PGAP2	chr11:3696239-3847601	20.4924	21.2033	0.0492007	0.990749
XLOC_016148	NCBP2	chr3:196662272-196669464	30.3362	31.3887	0.0492055	0.979701
XLOC_020454	LINC00265	chr7:39773166-39834222	3.49127	3.61249	0.0492434	0.98439
XLOC_020426	DKFZP58611420	chr7:30409665-30412410	1.04561	1.08196	0.049299	0.988019
XLOC_002975	LRRC20	chr10:72058728-72142382	6.5275	6.75445	0.0493081	0.981884
XLOC_008202	NIP7	chr16:69362523-69377013	21.024	21.7559	0.0493728	0.984917
XLOC_020527	AUTS2	chr7:69063904-70257885	1.55756	1.6118	0.0493835	0.985921
XLOC_021026	C7orf25	chr7:42948871-42951689	5.31777	5.50354	0.0495388	0.98468
XLOC_014779	PRR14L	chr22:32077333-32146120	1.58093	1.63617	0.0495548	0.981044
XLOC_002619	C10orf12	chr10:98741040-98745585	0.622229	0.643994	0.0496026	0.988166
XLOC_005597	CSRP2	chr12:77252495-77272799	38.5616	39.9117	0.0496463	0.979875
XLOC_020613	PPP1R9A	chr7:94536948-94925727	1.39178	1.44053	0.0496657	0.982033
XLOC_022440	C9orf89	chr9:95858449-95875565	64.8792	67.1518	0.0496702	0.979845
XLOC_003384	RCN1	chr11:32112476-32127272	54.4665	56.3757	0.0497049	0.979701

XLOC_022560	RABEPK	chr9:127962820-127996438	41.5749	43.0326	0.0497184	0.979701
XLOC_011469	TRMT1	chr19:13215713-13227563	50.5731	52.3467	0.0497285	0.979701
XLOC_010793	ETV2	chr19:36132646-36135773	0.530378	0.548979	0.0497307	0.994615
XLOC_018165	PPP1R11	chr6:30034931-30043628	44.778	46.3491	0.0497508	0.979701
XLOC_011847	PNKP	chr19:50364459-50370822	35.5347	36.7818	0.0497654	0.979701
XLOC_009005	GGNBP2	chr17:34900736-34946276	13.0523	13.5104	0.0497705	0.979701
XLOC_014852	DES1	chr22:41994031-42017061	18.8298	19.4911	0.0497954	0.979701
XLOC_005694	ANAPC7	chr12:110810704-11084153	12.6005	13.0433	0.0498334	0.979701
XLOC_022899	UBQLN1	chr9:86274877-86323168	33.2419	34.411	0.0498643	0.979701
XLOC_010596	PRKCSH	chr19:11546268-11561782	232.717	240.906	0.049894	0.979701
XLOC_009332	BAIAP2	chr17:79008946-79156964	15.4774	16.0225	0.0499327	0.979733
XLOC_021426	ZNF596	chr8:158344-197339	0.496463	0.51397	0.0499967	0.9953
XLOC_021541	WRN	chr8:30853320-31031277	1.68362	1.74301	0.0500179	0.982497
XLOC_004272	TMEM223	chr11:62554873-62559486	16.3216	16.8978	0.050056	0.993379
XLOC_017730	CENH	chr5:86690078-86708850	26.9699	27.9227	0.0500908	0.979701
XLOC_017229	RASA1	chr5:86564069-86687743	3.01832	3.12506	0.0501382	0.982703
XLOC_022670	RABL6	chr9:139690789-139735638	128.959	133.522	0.0501665	0.979701
XLOC_014871	TTL1	chr22:43435522-43485434	2.7697	2.86772	0.0501747	0.987693
XLOC_003388	QSER1	chr11:32914791-33001814	2.63525	2.72852	0.0501761	0.979733
XLOC_001322	CAPZB	chr1:19665266-19812066	95.0539	98.4229	0.0502485	0.979701
XLOC_006040	MTMR6	chr13:25820340-25861704	3.49337	3.61746	0.0503587	0.979701
XLOC_017721	LOC100131067	chr5:80256507-81047072	1.28395	1.32959	0.0503952	0.996079
XLOC_003118	NT5C2	chr10:104847773-10495308	7.12269	7.37619	0.0504523	0.979701
XLOC_007165	MAPKBP1	chr15:42066631-42120053	2.57012	2.66174	0.0505309	0.981044
XLOC_010851	SUPT5H	chr19:39936185-39967308	32.5192	33.681	0.0506429	0.979701
XLOC_012906	FBXO11	chr2:48010220-48132932	9.02157	9.34399	0.0506604	0.986822
XLOC_010061	C17orf62	chr17:80347085-80408707	37.4147	38.7528	0.0506921	0.985164
XLOC_002511	MCU	chr10:74451888-74647452	6.71178	6.95771	0.0507557	0.981044
XLOC_006224	LINC00346	chr13:111516333-11152268	1.62617	1.68448	0.0508231	0.982379
XLOC_001143	CNST	chr1:246729638-246831884	3.23697	3.35308	0.0508409	0.985283
XLOC_014961	TMEM43	chr3:14166439-14185180	16.9212	17.5284	0.0508644	0.979316
XLOC_018445	AMD1	chr6:111195986-111216913	20.2628	20.9906	0.0509123	0.979701
XLOC_021818	LOC100287015	chr8:6261076-6264069	1.92499	1.99414	0.0509186	0.987693
XLOC_008423	TXNDC11	chr16:11762288-11836648	8.25276	8.54972	0.0510008	0.987627
XLOC_017978	PDLIM7	chr5:176910394-176924602	84.7048	87.7546	0.0510303	0.979701
XLOC_022185	LRRC6	chr8:133584200-133687863	0.986502	1.02208	0.0511108	0.988581
XLOC_016509	CCRNL4	chr4:139936942-139967098	10.532	10.9119	0.0511317	0.979875
XLOC_006089	MRPS31	chr13:41303431-41345347	9.45376	9.79575	0.0512671	0.982497
XLOC_009367	GLOD4	chr17:662548-695741	32.5641	33.744	0.0513488	0.984947
XLOC_000239	EPB41	chr1:29213602-29450421	4.01871	4.16441	0.0513827	0.984917
XLOC_014457	SMARCB1	chr22:24129149-24181199	87.2845	90.4525	0.0514344	0.979701
XLOC_005498	CBX5	chr12:54624730-54673915	4.00508	4.15045	0.0514364	0.980556
XLOC_015732	HYAL2	chr3:50355220-50360281	18.831	19.5155	0.0515137	0.979701
XLOC_013504	ITPA	chr20:3189513-3204516	75.3263	78.0659	0.0515391	0.979701
XLOC_010128	PSMG2	chr18:12658737-12725739	74.8022	77.5237	0.0515583	0.979701
XLOC_010035	C17orf70	chr17:79506910-79519429	14.7057	15.2411	0.0515883	0.979701
XLOC_002836	TRDMT1	chr10:17184981-17244070	0.511918	0.53057	0.0516284	0.986822
XLOC_012984	DUSP11	chr2:73989324-74007284	17.5528	18.1926	0.0516564	0.979701
XLOC_016304	SLAIN2	chr4:48343612-48428215	3.38958	3.51315	0.0516568	0.979875
XLOC_0022107	MTERFD1	chr8:97251644-97273796	32.3098	33.4892	0.0517236	0.979701
XLOC_021224	VGFB	chr7:100805789-100808853	26.9154	27.8986	0.0517656	0.979701
XLOC_016309	DCUN1D4	chr4:52709275-52783003	5.46637	5.66608	0.0517677	0.979701
XLOC_023133	SURF6	chr9:136197551-136203047	58.8217	60.972	0.0517979	0.978981
XLOC_018695	HIST1H2BK	chr6:27106071-27114637	59.9496	62.1422	0.0518226	0.979638
XLOC_018846	CCDC167	chr6:37450696-37467700	26.0797	27.0346	0.0518841	0.981197
XLOC_014149	SON	chr21:34915349-34949812	12.3508	12.8032	0.0519081	0.978981
XLOC_000392	BTF3L4	chr1:52521856-52556388	14.0403	14.5549	0.0519308	0.979701
XLOC_003604	MRPL49	chr11:64888098-64902003	32.8444	34.0492	0.0519706	0.995302
XLOC_011542	COPE	chr19:19010322-19030199	265.098	274.825	0.0519895	0.978703
XLOC_010189	HAUS1	chr18:43684297-43708299	36.8044	38.1566	0.0520528	0.979046
XLOC_001807	CERS2	chr1:150937648-150947478	78.8242	81.7205	0.0520599	0.978638
XLOC_020567	MDH2	chr7:75677392-75695930	335.294	347.635	0.0521446	0.978945
XLOC_002219	CDC42BPA	chr1:227177565-227505828	2.26239	2.34569	0.0521621	0.979701
XLOC_006460	GPAT2	chr14:76618258-76669134	1.21307	1.25774	0.0521746	0.987693
XLOC_007971	CCP110	chr16:19535178-19564728	1.84435	1.91233	0.0522186	0.980559
XLOC_023168	SEC16A	chr9:139334547-139380518	15.6337	16.2103	0.052254	0.978703
XLOC_006815	DDHD1	chr14:53503457-53620046	1.33872	1.38811	0.0522743	0.979733
XLOC_015931	MGLL	chr3:127407904-127542093	25.9137	26.8706	0.0523148	0.979638
XLOC_010615	RNASEH2A	chr19:12917427-12924462	63.2206	65.557	0.0523533	0.978992
XLOC_011040	MED25	chr19:50321535-50340237	20.2188	20.9677	0.0524715	0.979701
XLOC_013723	PFND4	chr20:52824501-52836492	27.7853	28.8155	0.052521	0.979649
XLOC_019030	PPL16	chr6:109711417-109765122	0.23092	0.239486	0.0525444	1
XLOC_005882	COG3	chr13:46039029-46110833	2.60637	2.70322	0.0526405	0.979944
XLOC_014163	CHAF1B	chr21:37757688-37789125	9.34996	9.69758	0.0526649	0.979701
XLOC_016554	TMEM144	chr4:159131400-159176438	6.05691	6.28226	0.0527025	0.979701
XLOC_022586	URM1	chr9:131133597-131154298	75.677	78.5004	0.0528437	0.978555
XLOC_013392	SERPINE2	chr2:224839764-224904036	1.17785	1.22181	0.0528644	0.987693
XLOC_002242	FAM120A	chr9:96208781-96328397	37.0036	38.3851	0.0528792	0.980098
XLOC_011159	CNOT3	chr19:54641435-54663446	16.8961	17.5273	0.0529086	0.979875

XLOC_013512	SMOX	chr20:4129425-4168394	20.1077	20.859	0.0529217	0.979701
XLOC_018366	PTP4A1	chr6:64281919-64293489	14.3332	14.8689	0.0529343	0.978703
XLOC_017668	PDE4D	chr5:58264865-59843484	2.15005	2.2305	0.0529943	0.979701
XLOC_015893	LRRC58	chr3:120043575-120068184	3.68257	3.82042	0.0530196	0.979701
XLOC_013132	ERCC3	chr2:128014865-128051752	22.2736	23.1082	0.0530699	0.978196
XLOC_006158	TBC1D4	chr13:75858808-76056250	5.04804	5.23745	0.0531409	0.979701
XLOC_008338	IFT140	chr16:1543351-1662109	4.55144	4.72245	0.0532122	0.990555
XLOC_005600	PPP1R12A	chr12:80167342-80329235	4.27368	4.43435	0.0532459	0.979701
XLOC_013141	HS6ST1	chr2:129023053-129076172	11.6955	12.1353	0.0532566	0.979484
XLOC_014642	TRABD	chr22:50624359-50638027	51.4184	53.3554	0.0533486	0.978196
XLOC_014586	ZC3H7B	chr22:41697506-41756151	9.68786	10.0529	0.0533607	0.978188
XLOC_022120	ANKRD46	chr8:101521979-101572014	3.3403	3.46638	0.0534512	0.982412
XLOC_009344	ANAPC11	chr17:79849598-79858363	126.269	131.037	0.053471	0.978555
XLOC_005049	ACTR6	chr12:100593864-10061820	9.98963	10.3669	0.0534813	0.979701
XLOC_008427	GSPT1	chr16:11961984-12010519	20.3356	21.1038	0.0534964	0.979215
XLOC_015328	IFT122	chr3:129149786-129239192	2.76623	2.87078	0.0535187	0.990018
XLOC_003740	TMEM126A	chr11:85358962-85367597	30.6636	31.8227	0.0535292	0.979701
XLOC_006695	LINC00641	chr14:21668237-21675059	0.75972	0.78844	0.0535332	0.98972
XLOC_008354	NTHL1	chr16:2089815-2097867	36.5535	37.9362	0.0535636	0.979701
XLOC_004685	TP1	chr12:6976583-6982521	1159.39	1203.27	0.0535966	0.979701
XLOC_016059	RPL22L1	chr3:170582664-170588045	306.689	318.306	0.0536379	0.978703
XLOC_018237	RING1	chr6:33176285-33180499	41.2026	42.7636	0.0536454	0.978188
XLOC_021493	XPO7	chr8:21777179-21864096	15.0395	15.6097	0.053684	0.977885
XLOC_020369	MIOS	chr7:7606615-7647110	6.43748	6.68169	0.0537182	0.978981
XLOC_019074	ARHGAP18	chr6:129898239-130031370	1.32513	1.37541	0.0537282	0.985154
XLOC_008746	TIMM22	chr17:900356-905390	24.2077	25.1266	0.0537442	0.979701
XLOC_003176	OAT	chr10:126085871-12610754	48.778	50.6299	0.0537589	0.977332
XLOC_017001	HMG2	chr4:174252526-174255592	200.496	208.108	0.0537594	0.978703
XLOC_003208	ECHS1	chr10:135175986-13518690	147.982	153.602	0.0537719	0.978196
XLOC_021911	TNFRSF10D	chr8:22993100-23021543	34.2186	35.5185	0.0537885	0.979484
XLOC_018322	TMEM63B	chr6:44095375-44123256	9.18197	9.53084	0.0537999	0.979701
XLOC_021521	CDCA2	chr8:25316512-25365425	1.98996	2.06559	0.0538179	0.983673
XLOC_012227	PCBP1	chr2:70314584-70316334	190.88	198.149	0.0539196	0.978725
XLOC_018590	MAP3K4	chr6:161412821-161538417	2.24914	2.33481	0.0539295	0.979701
XLOC_008981	TMEM98	chr17:31254927-31268667	47.4749	49.285	0.0539819	0.977332
XLOC_004247	DDB1	chr11:61066918-61136975	64.3763	66.8357	0.0540894	0.979733
XLOC_008504	DOC2A	chr16:30007530-30022401	14.0442	14.5815	0.0541666	0.989365
XLOC_021419	PTPRN2	chr7:157331749-158380482	2.40399	2.49599	0.0541798	0.98297
XLOC_013344	EKF2F2	chr2:213864410-214016333	0.0236071	0.0245111	0.054216	1
XLOC_015480	ECE2	chr3:183967444-184010815	42.1644	43.7812	0.0542832	0.986822
XLOC_023931	HDAC8	chrX:71549365-71792953	10.0913	10.4786	0.0543268	0.979733
XLOC_002840	NSUN6	chr10:18834263-18940550	3.78691	3.93243	0.0544006	0.981044
XLOC_011737	ZNF45	chr19:44416775-44439411	1.85573	1.92716	0.0544895	0.982907
XLOC_021205	TAF6	chr7:99690403-99723128	43.8608	45.5492	0.0544937	0.993108
XLOC_006430	RBM25	chr14:73525220-73588076	11.246	11.679	0.0545123	0.976756
XLOC_007462	UBE3A	chr15:25582395-25684175	8.734	9.07058	0.0545533	0.977652
XLOC_012783	YWHAQ	chr2:9724105-9771106	146.645	152.297	0.0545573	0.977995
XLOC_001331	MUL1	chr1:20825940-20834674	18.9195	19.6497	0.0546326	0.978196
XLOC_011328	PLIN4	chr19:4472254-4517716	0.204266	0.212152	0.0546447	1
XLOC_016730	COMMD8	chr4:47452810-47465676	10.3209	10.7194	0.0546586	0.979701
XLOC_004779	MED21	chr12:27175454-27183606	5.43705	5.64724	0.0547212	0.979701
XLOC_022693	NELFB	chr9:140149758-140168000	105.441	109.521	0.0547699	0.977332
XLOC_000075	KIF1B	chr1:10270763-10441661	3.56475	3.70273	0.0547906	0.978931
XLOC_021029	COA1	chr7:43670750-43769140	48.2622	50.1319	0.0548361	0.97854
XLOC_000621	WDR3	chr1:118472371-118727848	12.1602	12.632	0.0549119	0.977177
XLOC_008201	VPS4A	chr16:69345286-69358946	57.4354	59.6671	0.054995	0.977358
XLOC_017171	SMN2	chr5:69345349-69373422	2.20754	2.29339	0.0550414	0.986569
XLOC_002983	PSAP	chr10:73576054-73611082	220.906	229.503	0.0550819	0.978413
XLOC_010866	SHKBP1	chr19:41082756-41097305	82.5989	85.8167	0.0551354	0.977332
XLOC_016797	G3BP2	chr4:76567952-76598667	14.9987	15.5836	0.0551999	0.977103
XLOC_014943	VHL	chr3:10183318-10195354	17.6618	18.3514	0.0552567	0.977332
XLOC_009023	LASP1	chr17:37026111-37078023	61.126	63.5135	0.0552761	0.977358
XLOC_005885	LRCH1	chr13:47127295-47327175	2.67406	2.7786	0.055327	0.979701
XLOC_004868	ESPL1	chr12:53662082-53687427	4.94104	5.13433	0.0553601	0.978703
XLOC_014083	STMN3	chr20:62271057-62284963	17.9404	18.6427	0.0553986	0.978196
XLOC_008093	LOC100507577	chr16:48274602-48420559	0.413151	0.429328	0.0554129	0.961175
XLOC_002273	CHML	chr1:241695433-241803702	1.52956	1.58946	0.0554168	0.979701
XLOC_011046	SIGLEC16	chr19:50472911-50479076	0.309545	0.321667	0.0554168	1
XLOC_022256	ZNF252P	chr8:146198974-146231432	3.97902	4.13487	0.0554276	0.979316
XLOC_018973	IBTK	chr6:82879955-82957448	4.50427	4.68087	0.0554839	0.977527
XLOC_013243	ATP5G3	chr2:176040985-176046490	64.2522	66.777	0.0556059	0.977332
XLOC_009350	GPS1	chr17:80009762-80015346	78.3877	81.4718	0.0556749	0.976618
XLOC_009963	NT5C	chr17:73106081-73127890	132.193	137.401	0.0557458	0.979701
XLOC_007181	HYPK,SERF2	chr15:44038589-44094769	156.764	162.947	0.0558062	0.987693
XLOC_014693	KLHL22	chr22:20795805-20850170	7.54625	7.84437	0.0558979	0.979701
XLOC_021655	CA13	chr8:86157715-86196302	4.41541	4.59004	0.0559585	0.979701
XLOC_012939	VPS54	chr2:64119666-64246214	3.16032	3.28551	0.056048	0.979701
XLOC_008584	NUDT21	chr16:56463047-56485261	23.8172	24.7615	0.0560935	0.977103
XLOC_023601	STAG2	chrX:123094474-123236502	8.51735	8.85529	0.0561353	0.977103

XLOC_013664	IFT52	chr20:42219578-42275862	11.5344	11.9922	0.056151	0.979484
XLOC_017899	DCTN4	chr5:150088308-150138657	12.2256	12.7109	0.0561571	0.976618
XLOC_013294	ANKRD44	chr2:197851385-198175527	0.484324	0.50356	0.056189	0.987693
XLOC_001042	TATDN3	chr1:212965169-212990167	4.28906	4.45959	0.0562494	0.979701
XLOC_016742	SCFD2	chr4:53739150-54232242	0.854006	0.88799	0.0562971	0.987062
XLOC_021520	DOCK5	chr8:25042286-25270619	0.61102	0.635335	0.056299	0.984917
XLOC_003920	APLP2	chr11:129939715-13001470	80.0788	83.2657	0.0563018	0.977652
XLOC_000147	C1orf151-NBL1,MINOS1,NB	chr1:19923470-19984949	104.888	109.064	0.0563193	0.979316
XLOC_011963	PPP6R1	chr19:55741146-55770038	39.8487	41.4351	0.0563206	0.976618
XLOC_011259	MIER2	chr19:305574-344791	15.0419	15.6413	0.0563738	0.978196
XLOC_022824	SPAG8	chr9:35792405-35812259	0.0467117	0.0485743	0.0564101	1
XLOC_016630	CTBP1	chr4:1205227-1242908	41.5926	43.2515	0.056425	0.976149
XLOC_009733	NT5C3B	chr17:39981333-39992523	54.9351	57.1281	0.0564719	0.976618
XLOC_016093	EHHADH	chr3:184880688-184971888	0.757077	0.78732	0.0565102	0.986353
XLOC_021257	COG5	chr7:106809405-107218961	11.9437	12.4209	0.0565153	0.979944
XLOC_001820	TDRKH	chr1:151744040-151763010	2.11174	2.19615	0.0565452	0.98468
XLOC_004987	CNOT2	chr12:70638773-70748773	17.1764	17.8635	0.0565907	0.976595
XLOC_004854	ACVR1B	chr12:52345450-52390863	6.68865	6.93556	0.0566171	0.977626
XLOC_010263	ADNP2	chr18:77866914-77898228	10.522	10.9432	0.0566235	0.977103
XLOC_015856	IFT57	chr3:107879658-107941417	7.38673	7.68272	0.0566811	0.978196
XLOC_015126	TEX264	chr3:51705221-51738339	99.4966	103.488	0.0567472	0.976618
XLOC_024040	RNF113A	chrX:119004494-119010621	32.5136	33.8194	0.0568066	0.990324
XLOC_015312	PLXNA1	chr3:126707436-126756231	6.65622	6.92371	0.0568428	0.977095
XLOC_002972	SAR1A	chr10:71909960-71930285	25.6385	26.6689	0.056845	0.976214
XLOC_019133	ZC3H12D	chr6:149768765-149806148	0.0264497	0.0275127	0.0568457	1
XLOC_007607	MYO1E	chr15:59428167-59665071	5.82883	6.06318	0.0568676	0.977531
XLOC_020371	GLCC1	chr7:8008373-8128709	0.928006	0.965338	0.0569005	0.985921
XLOC_004243	PRPF19	chr11:60658019-60674061	81.8005	85.0922	0.0569174	0.976756
XLOC_014140	EVA1C	chr21:33784751-33887697	8.89593	9.2541	0.0569461	0.979701
XLOC_018739	GNL1	chr6:30509154-30532473	13.4641	14.0068	0.0570105	0.978703
XLOC_0021150	SLC25A40	chr7:87463813-87538856	2.34949	2.44423	0.0570335	0.991767
XLOC_007764	DET1	chr15:89055713-89089912	3.01766	3.13944	0.0570781	0.982907
XLOC_023850	TFE3	chrX:48886241-48900990	27.6556	28.7734	0.0571622	0.976209
XLOC_005055	UTP20	chr12:101673904-10178035	1.54502	1.60769	0.0573627	0.978981
XLOC_018180	GTF2H4	chr6:30875976-30881880	28.4882	29.6476	0.0575507	0.977103
XLOC_007905	ZNF205	chr16:3160460-3170518	18.4066	19.1566	0.0576154	0.979316
XLOC_012329	MRPL30	chr2:99797541-99816020	16.3236	16.9891	0.0576475	0.976618
XLOC_003396	NAT10	chr11:34127110-34168458	28.0424	29.1857	0.0576486	0.976618
XLOC_005842	B3GALTL	chr13:31774111-31906411	1.65653	1.72412	0.057702	0.981135
XLOC_007270	CORO2B	chr15:68871307-69020144	1.91917	1.9975	0.0577112	0.98391
XLOC_002859	ACBD5	chr10:27484142-27531068	6.19745	6.45069	0.0577795	0.977358
XLOC_016294	LIMCH1	chr4:41362803-41702061	1.86824	1.9446	0.0577902	0.979701
XLOC_009089	RND2	chr17:41177257-41184058	0.457203	0.475897	0.0578174	0.987693
XLOC_016247	CC2D2A	chr4:15471488-15603180	3.33769	3.47417	0.0578195	0.985921
XLOC_013130	BIN1	chr2:127805598-127864903	32.18	33.4982	0.0579222	0.976756
XLOC_017393	NDFIP1	chr5:141488323-141534008	26.5839	27.673	0.0579263	0.976214
XLOC_002523	VCL	chr10:75757871-75879914	14.121	14.7002	0.0579956	0.976618
XLOC_003172	C10orf88	chr10:124690418-12471397	0.970026	1.00984	0.0580358	0.985982
XLOC_010039	ARL16	chr17:79648223-79650954	24.0754	25.0639	0.0580528	0.979215
XLOC_007864	TBL3	chr16:2022063-2028751	25.379	26.4217	0.0580863	0.976595
XLOC_012723	SH3BP4	chr2:235860627-235964358	3.7637	3.91835	0.0580914	0.979701
XLOC_009965	SUMO2	chr17:73163824-73179098	308.009	320.674	0.0581308	0.976618
XLOC_016841	ABCG2	chr4:89011415-89152474	0.465474	0.484639	0.0582126	0.986822
XLOC_022561	GAPVD1	chr9:128024110-128127290	6.23362	6.49052	0.0582634	0.976326
XLOC_021482	SLC7A2	chr8:17354596-17428077	2.77458	2.88893	0.0582646	0.978196
XLOC_008399	ANKS3	chr16:4746510-4799397	7.12092	7.41471	0.0583261	0.979733
XLOC_004915	CDK2	chr12:56360555-56366568	33.6173	35.0043	0.0583277	0.974585
XLOC_010544	EVI5L	chr19:7895160-7929862	7.16005	7.45568	0.0583705	0.979291
XLOC_020606	CCDC132	chr7:92861652-92990435	2.31772	2.41348	0.0584089	0.978196
XLOC_015734	RASSF1	chr3:50367216-50378367	20.2642	21.1015	0.0584105	0.977358
XLOC_014791	RBFOX2	chr22:36134782-36424585	16.1713	16.841	0.0585391	0.974169
XLOC_010730	ZNF429	chr19:21688436-21721079	0.495189	0.515709	0.0585804	0.987858
XLOC_021723	MED30	chr8:118532964-118552507	34.5996	36.0358	0.0586791	0.977332
XLOC_020918	RNF216	chr7:5659671-5821361	9.31026	9.69707	0.0587265	0.977103
XLOC_023351	USP11	chrX:47092313-47107727	11.5267	12.0061	0.05879	0.976618
XLOC_006156	KLF12	chr13:74260148-74708066	0.428961	0.44683	0.0588801	0.982782
XLOC_009285	LLGL2	chr17:73521782-73571290	34.8621	36.3151	0.0589074	0.979398
XLOC_012840	MPV17	chr2:27532359-27545969	44.1554	45.9968	0.0589438	0.976595
XLOC_021035	POLD2	chr7:44154278-44163169	154.131	160.561	0.0589635	0.974585
XLOC_008424	ZC3H7A	chr16:11844441-11891114	4.96145	5.16869	0.0590363	0.977332
XLOC_000074	UBE4B	chr1:10093040-10241296	5.25611	5.47588	0.0590941	0.977332
XLOC_001625	SSX2IP	chr1:85109389-85156240	2.97133	3.09577	0.0591885	0.977103
XLOC_014847	RANGAP1	chr22:41641614-41682216	94.985	98.9655	0.0592265	0.976618
XLOC_000650	CHD11	chr1:146714290-146767447	29.08	30.2991	0.0592445	0.974044
XLOC_003591	ESRRA	chr11:64073043-64085033	54.8984	57.2003	0.0592573	0.989126
XLOC_012455	SPOPL	chr2:139259349-139330808	1.52317	1.58708	0.0592964	0.979701
XLOC_003179	METTL10	chr10:126447405-12648043	3.15774	3.29024	0.0593018	0.979701
XLOC_004166	LRP4	chr11:46867961-46940173	1.40837	1.4675	0.0593343	0.979733
XLOC_011309	MFSD12	chr19:3538262-3557571	71.7816	74.7964	0.0593551	0.974249

XLOC_018354	LRRC1	chr6:53659777-53788919	3.70196	3.85748	0.059371	0.979484
XLOC_016522	ABCE1	chr4:145915726-146050674	19.279	20.0902	0.0594576	0.976618
XLOC_022562	PBX3	chr9:128509616-128729655	18.0467	18.8065	0.0594954	0.976326
XLOC_008826	CD68	chr17:7482804-7485429	413.625	431.075	0.0596146	0.976618
XLOC_016089	CLCN2	chr3:184053716-184079435	6.85409	7.14347	0.0596607	0.987334
XLOC_019046	HDAC2	chr6:114257319-114292355	7.30034	7.60864	0.0596758	0.974044
XLOC_013924	COMMD7	chr20:31290492-31331814	30.5218	31.8121	0.0597376	0.974392
XLOC_018308	PTK7	chr6:43044005-43129458	29.6535	30.9079	0.0597711	0.974494
XLOC_001674	DBT	chr1:100652477-100715405	1.14768	1.19626	0.0598125	0.978555
XLOC_011669	DYRK1B	chr19:40315989-40324841	1.09587	1.14241	0.0599998	0.987627
XLOC_004870	C12orf10	chr12:53693469-53700965	41.3601	43.1171	0.0600211	0.976214
XLOC_006485	TDP1	chr14:90422245-90511108	8.06198	8.4045	0.0600271	0.976618
XLOC_003672	PPP6R3	chr11:68228185-68382801	11.4291	11.9148	0.0600358	0.974226
XLOC_008846	RANGRF	chr17:8191081-8198170	67.8291	70.7148	0.0601066	0.977103
XLOC_007160	RTF1	chr15:41709301-41775761	12.7575	13.3007	0.0601523	0.974142
XLOC_003954	CHID1	chr11:867858-915058	22.4453	23.4014	0.0601767	0.974044
XLOC_003051	CPEB3	chr10:93808396-94050875	0.161624	0.16851	0.0601907	1
XLOC_021337	CREB3L2	chr7:137559724-137686847	4.3062	4.48992	0.060276	0.98241
XLOC_002947	IPMK	chr10:59951277-60027694	1.80676	1.8839	0.0603126	0.979701
XLOC_002951	CCDC6	chr10:61548505-61666414	9.90083	10.3237	0.0603367	0.973348
XLOC_005745	SPPL3	chr12:121200312-12134215	13.7254	14.3117	0.0603451	0.974044
XLOC_010534	MCOLN1	chr19:7587495-7598895	10.8549	11.3186	0.0603481	0.987803
XLOC_018974	UBE3D	chr6:83602185-83775545	1.61437	1.68334	0.060355	0.986431
XLOC_022698	EHMT1	chr9:140513443-140730574	11.3135	11.797	0.060377	0.976595
XLOC_006298	IRF9	chr14:24630421-24635774	2.48829	2.5947	0.0604118	0.984917
XLOC_014718	CHCHD10	chr22:24105207-24110141	311.896	325.242	0.0604489	0.974044
XLOC_001543	EPS15	chr1:51819934-51984995	5.64477	5.88634	0.060457	0.976618
XLOC_0012141	NDUFAF7	chr2:37458773-37476303	7.39845	7.71513	0.0604664	0.977332
XLOC_001289	CASP9	chr1:15818768-15851285	4.11684	4.29305	0.0604672	0.980556
XLOC_022977	LOC441461	chr9:102648599-102668885	2.26636	2.36339	0.060482	0.989748
XLOC_015838	CLDND1	chr3:98234316-98241910	24.1782	25.2135	0.060486	0.974044
XLOC_013596	DNMT3B	chr20:31350190-31397162	1.49067	1.55451	0.0604993	0.981197
XLOC_009228	DDX42	chr17:61851566-61896677	16.6896	17.4044	0.0605031	0.973348
XLOC_006281	C14orf119	chr14:23527773-23569665	25.0323	26.1045	0.0605103	0.986822
XLOC_011873	SHANK1	chr19:51165083-51220195	4.60132	4.79843	0.060515	0.979215
XLOC_003859	HMBS	chr11:118955586-11896425	24.8609	25.9269	0.0605679	0.976214
XLOC_004301	TRMT112	chr11:64073043-64085033	438.938	457.76	0.0605726	0.979701
XLOC_001982	OLFML2B	chr1:161952981-16199364	0.560159	0.584197	0.0606168	0.987693
XLOC_005599	PAWR	chr12:79985744-80084790	16.0281	16.717	0.0607138	0.976618
XLOC_014956	HDAC11	chr3:13521714-13547924	9.84593	10.2693	0.0607425	0.976618
XLOC_015760	NT5DC2	chr3:52529355-52569093	97.786	101.991	0.0607445	0.973867
XLOC_016862	LAMTOR3	chr4:100799494-100815703	5.30768	5.53616	0.0608047	0.976122
XLOC_016635	NELFA	chr4:1984440-2010962	38.004	39.6405	0.060826	0.974044
XLOC_016200	WFS1	chr4:6271576-6304992	13.6069	14.1932	0.0608694	0.976122
XLOC_003766	HEPPL1	chr11:93754377-93847374	0.00755493	0.00788055	0.0608785	1
XLOC_002404	CCNY	chr10:35535952-35860847	24.946	26.0214	0.0608908	0.972601
XLOC_001119	GPR137B	chr1:236305831-236372205	10.0158	10.4479	0.0609336	0.977332
XLOC_020866	NUB1	chr7:151038846-151075544	18.0963	18.8778	0.0609937	0.972989
XLOC_015414	TIPARP	chr3:156390959-156424557	11.3468	11.8372	0.0610331	0.974169
XLOC_007498	ATPBD4	chr15:35663169-36151202	3.06374	3.19621	0.0610689	0.979733
XLOC_008491	SULT1A1	chr16:28616907-28634907	9.04329	9.43448	0.0610967	0.979701
XLOC_000212	ZDHHC18	chr1:27153200-27182211	29.3663	30.6389	0.0611999	0.97314
XLOC_023357	LOC100133957	chrX:47511190-47519776	2.51721	2.62631	0.0612143	0.995302
XLOC_004299	PPP1R14B	chr11:64011950-64014413	435.827	454.717	0.061215	0.973065
XLOC_010568	C19orf66	chr19:10196805-10213425	8.19583	8.55118	0.061234	0.979701
XLOC_005711	DDX54	chr12:113587662-11362325	32.215	33.6144	0.0613453	0.972989
XLOC_004475	CWC15	chr11:94695786-94706776	25.3528	26.4542	0.0613531	0.974044
XLOC_016795	RCHY1	chr4:76404246-76439640	3.99892	4.17272	0.0613799	0.977103
XLOC_003087	COX15	chr10:101419262-10151585	8.88746	9.27387	0.0614018	0.979701
XLOC_000534	RTCA	chr1:100731713-100758325	15.9613	16.6554	0.0614188	0.973723
XLOC_017749	ERAP1	chr5:95997740-96149848	2.86095	2.98538	0.0614207	0.993108
XLOC_017913	FLJ38109	chr5:153570294-153825382	0.0359673	0.0375319	0.0614336	1
XLOC_002676	TAF5	chr10:105127723-10515627	2.92308	3.05034	0.0614828	0.99351
XLOC_000337	KDM4A	chr1:44115796-44173012	6.719	7.01172	0.0615229	0.97582
XLOC_006505	IFI27L1	chr14:94547638-94569060	22.6228	23.6093	0.0615778	0.979701
XLOC_011849	IL4I1,NUP62	chr19:50392912-50437193	24.5414	25.6121	0.0616124	0.987693
XLOC_014777	EIF4ENIF1	chr22:31835344-31885874	3.93988	4.11206	0.0617101	0.979215
XLOC_017058	NKD2	chr5:1009076-1038927	13.412	13.9983	0.0617342	0.977332
XLOC_000203	SH3BGR3	chr1:26606212-26608013	291.885	304.673	0.061862	0.971854
XLOC_005737	PXN	chr12:120639093-12070357	90.0492	93.9959	0.0618831	0.97314
XLOC_007197	BLOC1S6	chr15:45879416-45901909	10.52	10.9813	0.0619109	0.972601
XLOC_000735	CREB3L4	chr1:153931574-153950457	5.75951	6.01208	0.0619195	0.99634
XLOC_014929	THUMPDP3	chr3:9404716-9428475	11.4037	11.9046	0.0620251	0.972989
XLOC_007481	WHAMMP1	chr15:32812048-32825942	0.64783	0.676312	0.0620735	0.988154
XLOC_000627	FAM72B	chr1:120839004-120855687	1.60591	1.67652	0.0620738	0.983952
XLOC_014261	CCT8	chr21:30428647-30446010	170.163	177.648	0.0621034	0.974044
XLOC_022654	MRPS2	chr9:138392476-138396515	284.709	297.24	0.0621426	0.974044
XLOC_016804	NUP54	chr4:77035816-77069655	13.7516	14.357	0.062148	0.974044
XLOC_012421	SFT2D3	chr2:128458596-128461407	7.3718	7.69634	0.0621554	0.978196

XLOC_002954	RHOBTB1	chr10:62629197-62761198	0.734651	0.766995	0.0621579	0.982703
XLOC_003116	ARL3	chr10:104433483-10447411	6.07296	6.34041	0.062176	0.976756
XLOC_015484	FAM131A	chr3:184053716-184079431	15.6833	16.3752	0.062285	0.979733
XLOC_010673	BABAM1	chr19:17378231-17390162	51.8799	54.1698	0.0623139	0.971485
XLOC_023816	MED14	chrX:40508794-40594804	4.62383	4.8281	0.0623671	0.973723
XLOC_002605	PLCE1	chr10:95753745-96088148	0.0653555	0.0682431	0.0623745	1
XLOC_014687	RTN4R	chr22:20228937-20255816	17.9354	18.728	0.0623854	0.977332
XLOC_016302	ATP10D	chr4:47487409-47595503	0.840198	0.877327	0.0623866	0.979875
XLOC_010809	TBCB	chr19:36602104-36616849	80.7962	84.3699	0.062422	0.979701
XLOC_022498	RAD23B	chr9:110045516-110094471	50.645	52.8852	0.0624455	0.972989
XLOC_013417	LINC00471	chr2:232373136-232379051	0.145143	0.151566	0.0624761	1
XLOC_015769	DCP1A	chr3:53317444-53381654	3.39341	3.54366	0.0625055	0.976618
XLOC_004267	C11orf48	chr11:62430288-62441162	50.409	52.6449	0.0626103	0.979701
XLOC_006353	C14orf166	chr14:52456227-52471420	178.758	186.691	0.0626472	0.972397
XLOC_017706	WDR41	chr5:76728068-76788332	13.0656	13.6456	0.0626627	0.972111
XLOC_004586	HSPA8	chr11:122928199-12293291	609.914	636.998	0.0626683	0.976214
XLOC_008015	KIAA0556	chr16:27561467-27791692	1.46492	1.53	0.0627097	0.979701
XLOC_023814	BCOR	chrX:39910498-40036582	1.7211	1.79757	0.0627113	0.979701
XLOC_023191	ANAPC2	chr9:140069235-140084821	28.8946	30.1792	0.0627516	0.987423
XLOC_011335	PLIN3	chr19:4838345-4867780	72.203	75.4132	0.062758	0.970232
XLOC_011498	BRD4	chr19:15348300-15391262	8.78293	9.17349	0.062769	0.974044
XLOC_022466	TDRD7	chr9:100174301-100258401	5.52217	5.76802	0.0628411	0.974773
XLOC_002518	SEC24C	chr10:75504130-75531933	10.8138	11.2953	0.0628531	0.972228
XLOC_003076	MORN4	chr10:99374309-99393913	4.95584	5.17665	0.0628912	0.979701
XLOC_003308	ZNF215	chr11:6947653-6979278	1.65564	1.72942	0.0629065	0.979701
XLOC_010146	CABLES1	chr18:20714527-20840434	1.73646	1.81385	0.0629076	0.979701
XLOC_012403	STEAP3	chr2:119981383-120023221	15.8376	16.5438	0.0629395	0.972989
XLOC_007997	UBFD1	chr16:23568861-23585710	7.30966	7.63582	0.0629778	0.973348
XLOC_023810	DYNLT3	chrX:37698088-37706889	5.24232	5.47631	0.0629995	0.977652
XLOC_003628	MUS81	chr11:65627871-65640405	28.7346	30.02	0.0631345	0.974044
XLOC_004965	RASSF3	chr12:65004292-65091347	6.10459	6.3777	0.0631416	0.976618
XLOC_015525	TMEM44-AS1	chr3:194304996-194354151	1.92903	2.01555	0.0633001	0.994615
XLOC_013408	SP110	chr2:231033644-231090441	1.59487	1.66643	0.0633233	0.982497
XLOC_002198	TAF1A	chr1:222731243-222763271	3.18153	3.32449	0.0634131	0.979701
XLOC_009776	SLC25A39	chr17:42396992-42402217	359.507	375.667	0.0634345	0.97028
XLOC_009341	MRPL12	chr17:79670399-79674556	145.61	152.157	0.0634484	0.970551
XLOC_013337	KANSL1L	chr2:210867351-211036051	3.31702	3.46623	0.0634805	0.979733
XLOC_012658	ZFAND2B	chr2:220071505-220074371	29.3597	30.6804	0.0634812	0.976198
XLOC_014865	POLDIP3	chr22:42979726-43010962	29.7727	31.1128	0.0635222	0.970346
XLOC_011190	ZNF524	chr19:56111729-56114504	28.5661	29.853	0.063574	0.976618
XLOC_015631	LRRFIP2	chr3:37094116-37217851	9.02964	9.43693	0.0636489	0.972176
XLOC_001878	PYGO2	chr1:154929501-154934251	10.7241	11.2084	0.0637201	0.974169
XLOC_015946	PLXND1	chr3:129274055-129325581	8.88307	9.28493	0.0638329	0.972989
XLOC_000960	CAMSAP2	chr1:200708685-200829831	2.35724	2.46401	0.0639071	0.974762
XLOC_013185	PRPF40A	chr2:153508106-153573971	9.96173	10.4132	0.0639393	0.972111
XLOC_023195	FAM166A	chr9:140135710-140142221	9.00178	9.40994	0.0639743	0.997036
XLOC_005346	LDHB	chr12:21788274-21810789	807.837	844.482	0.0640029	0.974044
XLOC_013176	MMADHC	chr2:150426146-150444331	73.979	77.3361	0.0640266	0.970232
XLOC_021066	SEC61G	chr7:54819939-54826939	372.044	388.966	0.0641684	0.970195
XLOC_012570	CCDC150	chr2:197504355-197597531	1.17733	1.2309	0.0641938	0.979733
XLOC_016022	C3orf33	chr3:155480400-155524051	4.04567	4.22979	0.064208	0.979701
XLOC_010536	CAMSAP3	chr19:7660787-7683196	13.0071	13.5991	0.0642102	0.974044
XLOC_002934	AGAP8	chr10:51026324-51371331	0.84655	0.885093	0.0642337	0.99351
XLOC_010755	C19orf40	chr19:33463147-33467960	2.37594	2.48418	0.0642724	0.984917
XLOC_000676	RPRD2	chr1:150336989-150449041	3.11532	3.25732	0.0643058	0.974044
XLOC_015786	ARF4	chr3:57557089-57583215	69.8655	73.0502	0.0643069	0.969963
XLOC_002986	DNAJB12	chr10:74092587-74114907	16.3698	17.1163	0.0643307	0.972228
XLOC_011550	SUGP1	chr19:19387321-19431321	15.5023	16.2099	0.0643914	0.974044
XLOC_003506	FAM111A	chr11:58910317-58922511	4.70932	4.925	0.0646065	0.976002
XLOC_011462	RTBDN	chr19:12936290-12946242	0.450386	0.471039	0.0646845	0.991767
XLOC_013129	MKI67IP	chr2:122407229-122494501	47.8223	50.0153	0.0646873	0.970232
XLOC_005162	HIP1R	chr12:123320038-12334751	13.9689	14.6097	0.0647036	0.972111
XLOC_007978	LYRM1	chr16:20869395-20936328	11.8154	12.358	0.0647734	0.979701
XLOC_008493	LOC100289092	chr16:28889808-28936532	7.16661	7.49598	0.0648265	0.995957
XLOC_022431	SYK	chr9:93564011-93660842	8.77833	9.18203	0.0648669	0.971485
XLOC_015100	NDUFAF3	chr3:49044636-49060926	67.467	70.5715	0.0649021	0.989365
XLOC_011691	EXOSC5	chr19:41892275-41903256	137.67	144.009	0.0649384	0.969963
XLOC_008650	EXOSC6	chr16:70284133-70285833	27.8998	29.1849	0.0649694	0.974044
XLOC_022082	NBN	chr8:90945563-90996899	9.58959	10.0314	0.0649767	0.970232
XLOC_013046	STARD7	chr2:96850602-96908362	37.0352	38.7425	0.0650214	0.970195
XLOC_015465	ATP11B	chr3:182511290-182639421	3.63953	3.80733	0.0650251	0.972111
XLOC_008959	GOSR1	chr17:28804425-28853832	5.32798	5.57364	0.0650315	0.972176
XLOC_004033	HPX	chr11:6452267-6462254	0.225778	0.2362	0.0651027	1
XLOC_022666	FAM69B	chr9:139607023-139622631	3.07224	3.21407	0.0651107	0.995874
XLOC_011895	CLNDN2	chr19:51870351-51872257	0.314166	0.328677	0.0651428	1
XLOC_017559	LOC728613	chr5:1597671-1634120	0.657298	0.687683	0.0651954	0.986822
XLOC_021813	RPL23AP53	chr8:158344-197339	1.63956	1.71541	0.0652471	0.979484
XLOC_015653	SNRK-AS1	chr3:43328003-43393454	0.283042	0.296137	0.0652489	1
XLOC_000347	RNF220	chr1:44870959-45117396	40.9174	42.8107	0.0652582	0.970195

XLOC_018380	MTO1	chr6:74171453-74211179	5.81343	6.08263	0.0653054	0.974044
XLOC_018717	TRIM27	chr6:28870778-28891768	33.3763	34.9233	0.0653676	0.970053
XLOC_008235	TERF2IP	chr16:75681634-75691341	24.0598	25.1752	0.0653803	0.970195
XLOC_003165	MCMBP	chr10:121588915-12163314	15.4965	16.2153	0.0654148	0.96887
XLOC_008047	CORO1A	chr16:30194730-30200575	18.1163	18.9577	0.0654937	0.972613
XLOC_000508	RPAP2	chr1:92711954-92853732	4.31994	4.52067	0.0655247	0.979733
XLOC_017939	NUDCD2	chr5:162880585-162887143	41.902	43.85	0.0655564	0.972228
XLOC_018297	UBR2	chr6:42531759-42661243	2.66319	2.78706	0.0655857	0.972989
XLOC_001500	ELOVL1	chr1:43829067-43833745	91.543	95.8059	0.0656645	0.970195
XLOC_000009	ISG15	chr1:948846-949919	102.431	107.207	0.0657434	0.972775
XLOC_005766	ABCY9	chr12:123405497-12345103	4.18844	4.38403	0.0658439	0.978703
XLOC_021862	XKR6	chr8:10753656-11058875	0.149334	0.15632	0.0659509	1
XLOC_009595	SLC6A4	chr17:28521336-28562986	0.0494035	0.051715	0.0659696	1
XLOC_004405	PGM2L1	chr11:74041360-74109502	0.431969	0.452194	0.0660166	0.979733
XLOC_016462	SEC24B	chr4:110351118-110461613	5.76573	6.0357	0.066017	0.972601
XLOC_010870	EGLN2,MIA,RAB4B	chr19:41281081-41314346	50.9905	53.3782	0.0660197	0.970195
XLOC_010285	LAMA1	chr18:6941742-7117813	7.77244	8.13641	0.0660241	0.968918
XLOC_001996	ILDR2	chr1:166882440-166944567	0.64567	0.675926	0.0660691	0.979701
XLOC_002520	CHCHD1	chr10:75541807-75543406	73.077	76.5018	0.0660762	0.969514
XLOC_012811	C2orf43	chr2:20884817-21022827	3.1679	3.31651	0.0661377	0.977103
XLOC_009876	TEX14	chr17:56634037-56769416	0.0298887	0.031291	0.0661444	1
XLOC_008081	ZNF720	chr16:31724549-31772886	1.9256	2.01595	0.0661493	0.979701
XLOC_000772	SLC25A44	chr1:156163729-156182587	6.26069	6.55448	0.0661608	0.974044
XLOC_016624	GAK	chr4:843064-926174	19.3999	20.3109	0.0662073	0.967799
XLOC_021920	KCTD9	chr8:25285363-25315984	6.1659	6.45586	0.0662994	0.972176
XLOC_011511	CHERP	chr19:16607204-16653263	19.3993	20.3124	0.0663548	0.972601
XLOC_014803	TST	chr22:37406899-37425863	83.1105	87.025	0.0663994	0.968822
XLOC_002241	RMI1	chr9:86595636-86618987	1.89981	1.98932	0.0664189	0.978196
XLOC_015372	ACPL2	chr3:140950681-141013488	3.69243	3.86676	0.0665549	0.977103
XLOC_013146	CCDC74B	chr2:130887195-130902707	1.32478	1.38733	0.0665613	0.987693
XLOC_023980	GLA	chrX:100645877-100669121	20.4231	21.3875	0.0665648	0.976618
XLOC_015089	DHX30	chr3:47844398-47891686	32.7101	34.2559	0.0666156	0.97028
XLOC_018582	MRPL18	chr6:160211491-160219467	72.352	75.7717	0.0666249	0.968205
XLOC_010098	MYL12B	chr18:3262110-3278282	613.159	642.142	0.0666316	0.970232
XLOC_016457	CYP2U1	chr4:108852716-108874613	1.8598	1.94777	0.0666752	0.977332
XLOC_012306	FAHD2A	chr2:96068447-96078879	24.2039	25.3489	0.0666867	0.970195
XLOC_022467	TMOD1	chr9:100263461-100436023	0.989896	1.03674	0.0666998	0.99634
XLOC_013759	OSBPL2	chr20:60813579-60871269	8.66995	9.08033	0.0667203	0.970346
XLOC_007384	MRPS11	chr15:89010683-89021861	23.7987	24.9254	0.0667375	0.97028
XLOC_022933	NOL8	chr9:95059639-95432547	6.19722	6.49064	0.0667407	0.979944
XLOC_005483	SPRYD3	chr12:53436972-53473204	24.9805	26.1646	0.0668137	0.969075
XLOC_022330	UNC13B	chr9:35161988-35405332	1.36116	1.42572	0.0668498	0.977991
XLOC_006027	ZDHHC20	chr13:21872263-22033508	4.27492	4.47775	0.0668777	0.972601
XLOC_013394	CUL3	chr2:225334866-225450114	5.82779	6.10431	0.0668798	0.970195
XLOC_018411	CASP8AP2	chr6:90539618-90584155	0.45322	0.474754	0.0669701	0.979733
XLOC_012583	NIF3L1	chr2:201754049-201768657	19.2409	20.1552	0.0669793	0.970232
XLOC_002895	ZNF32	chr10:44124264-44170147	24.5027	25.6691	0.067087	0.974169
XLOC_014198	PDXK	chr21:45138977-45182188	17.6281	18.4676	0.0671197	0.967901
XLOC_012582	BZW1	chr2:201676268-201688567	66.7023	69.8795	0.0671345	0.967901
XLOC_008113	GNAO1	chr16:56225250-56391356	0.0152823	0.0160105	0.0671548	1
XLOC_023714	IKBKX	chrX:153759605-153793267	12.5038	13.1003	0.0672346	0.986832
XLOC_001407	PUM1	chr1:31404352-31538564	7.9911	8.37245	0.0672555	0.969963
XLOC_001344	LUZP1	chr1:23410515-23495351	3.49358	3.66037	0.0672842	0.970053
XLOC_004308	CDC42BPG	chr11:64591661-64612041	0.0977964	0.102466	0.067291	1
XLOC_008040	ASPHD1	chr16:29912146-29917377	35.0868	36.7629	0.067324	0.969963
XLOC_000385	FOXO2	chr1:47901688-47906363	1.74907	1.83264	0.0673421	0.980533
XLOC_021272	LOC401397	chr7:112756772-112758663	72.9138	76.3997	0.0673751	0.967901
XLOC_013060	TMEM131	chr2:98372800-98612354	4.69417	4.9186	0.0673782	0.970142
XLOC_016215	TRMT44	chr4:8442531-8478282	4.32328	4.52999	0.0673815	0.976756
XLOC_022785	B4GALT1	chr9:33110638-33167356	9.36739	9.81562	0.0674313	0.969963
XLOC_018083	ALDH5A1	chr6:24495196-24537435	3.98585	4.17662	0.0674481	0.970881
XLOC_003158	CACUL1	chr10:120440493-12051473	7.225	7.57091	0.0674689	0.967901
XLOC_003073	RRP12	chr10:99116457-99161127	12.4905	13.0886	0.0674808	0.966946
XLOC_010313	KCTD1	chr18:24034873-24237365	2.96379	3.10572	0.0674845	0.979701
XLOC_009030	STARD3	chr17:37793332-37820454	29.3626	30.7703	0.0675606	0.967901
XLOC_012321	LOC728537	chr2:98286205-98319529	0.965767	1.01209	0.0675857	0.986822
XLOC_002979	PCBD1	chr10:72643266-72648541	200.722	210.364	0.0676877	0.967901
XLOC_009860	COIL	chr17:55015560-55038411	5.24660	5.49821	0.0677286	0.972989
XLOC_024195	FAM3A	chrX:153733326-153744561	15.5064	16.2519	0.0677438	0.970195
XLOC_006462	VASH1	chr14:77282324-77249363	2.2167	2.3233	0.0677662	0.976595
XLOC_020681	ARMC10	chr7:102715327-102789567	35.9811	37.7122	0.0677913	0.972228
XLOC_000233	TRNAU1AP	chr1:28879528-28908366	13.5686	14.2218	0.0678243	0.978279
XLOC_021571	IKBKX	chr8:42128819-42190171	12.3196	12.9127	0.0678246	0.966946
XLOC_024184	HCFC1	chrX:153213007-153236811	9.36238	9.81327	0.0678596	0.966045
XLOC_008185	NUTF2	chr16:67862059-67905219	259.22	271.708	0.0678811	0.976214
XLOC_023125	TTF1	chr9:135250936-135282238	8.78814	9.21168	0.0679072	0.973348
XLOC_010295	FAM210A	chr18:13663345-13726591	7.12131	7.46497	0.0679937	0.969241
XLOC_003863	NLRX1	chr11:119039439-11905472	7.33641	7.69065	0.0680313	0.974044
XLOC_001583	TM2D1	chr1:62146718-62191095	25.6285	26.8662	0.0680418	0.970195

XLOC_009080	CNTD1	chr17:40950853-40976310	0.185847	0.19483	0.0681027	1
XLOC_003682	CTTN	chr11:70244611-70282690	67.4644	70.7266	0.0681263	0.967901
XLOC_014426	SNAP29	chr22:2123291-21245501	6.61505	6.93497	0.0681361	0.968906
XLOC_001906	C1orf85	chr1:156262477-156265480	32.3775	33.9444	0.0681805	0.970195
XLOC_002882	CUL2	chr10:35297478-35379570	8.18901	8.58545	0.0682049	0.967799
XLOC_006640	TNFAlP2	chr14:103592663-10360371	7.11907	7.46375	0.0682124	0.972228
XLOC_021000	LSM5	chr7:32524944-32534870	20.411	21.3993	0.0682159	0.966946
XLOC_003566	POLR2G	chr11:62529010-62534187	118.845	124.606	0.0682828	0.967901
XLOC_001048	SMYD2	chr1:214454564-214510477	18.4356	19.33	0.0683519	0.968882
XLOC_010599	ZNF833P	chr19:11784812-11797384	0.586432	0.61489	0.0683651	0.986822
XLOC_009078	VPS25	chr17:40925453-40931617	77.9155	81.6975	0.0683814	0.966946
XLOC_011547	NR2C2AP	chr19:19256375-19314238	44.7932	46.968	0.068397	0.980663
XLOC_018305	KLHDC3	chr6:42981840-42989036	47.3522	49.6554	0.0685209	0.966946
XLOC_005997	MCF2L	chr13:113623534-11375401	1.79548	1.88282	0.068525	0.977332
XLOC_014842	SLC25A17	chr22:41165638-41215392	12.1855	12.7785	0.0685551	0.970053
XLOC_002600	CEP55	chr10:95256368-95288849	13.492	14.1489	0.0685838	0.969963
XLOC_008754	DPH1,OVCA2	chr17:1933430-1946725	110.863	116.265	0.0686396	0.970195
XLOC_004780	STK38L	chr12:27397077-27478890	2.94474	3.0883	0.0686715	0.97067
XLOC_012599	CYP20A1	chr2:204103163-204170561	1.3658	1.43239	0.0686815	0.973585
XLOC_016386	USO1	chr4:76649828-76735366	9.13489	9.58078	0.0687556	0.967901
XLOC_009669	ORMDL3	chr17:38077295-38083884	16.9578	17.7856	0.0687613	0.969075
XLOC_017165	CDK7	chr5:68530621-68573257	36.3034	38.0757	0.0687674	0.966946
XLOC_005424	FKBP11	chr12:49315741-49319330	150.766	158.151	0.0689918	0.967289
XLOC_001114	COA6	chr1:234509213-234519791	70.362	73.8132	0.0690839	0.969963
XLOC_012080	RAB10	chr2:26256728-26360323	25.9732	27.2475	0.069098	0.966946
XLOC_007662	TLE3	chr15:70340542-70390256	8.23908	8.64429	0.069264	0.966946
XLOC_014330	HMGN1	chr21:40714240-40721047	204.37	214.424	0.0692853	0.966946
XLOC_013065	MIFD1	chr2:99785725-99797492	18.718	19.639	0.0692963	0.972076
XLOC_013806	SRXN1	chr20:627267-634014	38.7203	40.6258	0.069305	0.966946
XLOC_002838	PTPLA	chr10:17631957-17659373	4.56645	4.79117	0.0693073	0.979701
XLOC_012753	FARP2	chr2:242295663-242448981	0.580617	0.609239	0.0694213	0.870747
XLOC_005895	PHF11	chr13:50069800-50103117	8.73203	9.1631	0.069518	0.973723
XLOC_013983	TOMM34	chr20:43570770-43589114	81.4459	85.4693	0.0695638	0.966946
XLOC_018681	HIST1H2BC	chr6:26123694-26124132	2.02244	2.12241	0.0696056	0.990857
XLOC_003391	LINC00294	chr11:33097695-33101000	3.0372	3.18736	0.0696204	0.976618
XLOC_010112	NDUFV2	chr18:9102627-9134343	155.903	163.618	0.0696846	0.966566
XLOC_016435	PDLIM5	chr4:95373007-95589378	2.92346	3.06826	0.0697467	0.979701
XLOC_010464	DOT1L	chr19:2164147-2232577	7.36286	7.72758	0.0697502	0.968205
XLOC_004102	TSG101	chr11:18501857-18548503	33.5287	35.1902	0.0697782	0.966946
XLOC_021397	CDK5	chr7:150750898-150755051	36.6025	38.4166	0.0697887	0.967901
XLOC_013263	CWC22	chr2:180809603-180871780	3.84783	4.03856	0.0697954	0.972601
XLOC_012545	DNAJC10	chr2:183580767-183644750	6.26469	6.57542	0.0698405	0.966946
XLOC_001290	AGMAT	chr1:15853351-15911605	6.95116	7.29601	0.0698541	0.979291
XLOC_013544	POLR3F	chr20:18448032-18465286	4.31841	4.53277	0.0698917	0.976149
XLOC_010624	CCDC130	chr19:13858752-13874106	19.8787	20.8656	0.0699024	0.972111
XLOC_007654	AAGAB	chr15:67493012-67819641	12.7391	13.372	0.0699511	0.974705
XLOC_018764	LY6G5C	chr6:31644460-31648150	2.36501	2.4826	0.0700038	0.986529
XLOC_003778	CEP57	chr11:95523624-95565857	9.7489	10.2336	0.070008	0.966946
XLOC_009972	GALK1	chr17:73754017-73761280	48.8224	51.2505	0.0700223	0.967282
XLOC_014545	PDXP	chr22:38054736-38062939	50.8621	53.3926	0.0700487	0.966372
XLOC_015733	TUSC2	chr3:50362340-50365668	19.0016	19.9475	0.0700853	0.968521
XLOC_020926	KDEL2	chr7:6500711-6523849	56.3705	59.1781	0.0701218	0.965498
XLOC_017768	REEP5	chr5:112196884-112258031	26.3154	27.6277	0.0702051	0.972304
XLOC_015712	C3orf62	chr3:49306029-49314508	2.51099	2.63625	0.070231	0.976595
XLOC_020752	KLHDC10	chr7:129710348-129775560	3.52885	3.70501	0.0702804	0.970195
XLOC_011416	RAVER1	chr19:10426888-10444314	31.6515	33.2316	0.0702817	0.966946
XLOC_024190	FLNA	chrX:153576899-153603001	76.1253	79.9285	0.0703337	0.966946
XLOC_002062	GLUL	chr1:182350838-182361341	22.4491	23.5708	0.0703432	0.965685
XLOC_015988	LOC100289361	chr3:142719686-142720301	6.31662	6.63233	0.0703639	0.984481
XLOC_011098	ZNF765	chr19:53898396-53915262	1.0147	1.06542	0.0703682	0.979046
XLOC_001825	THEM4	chr1:151843342-151882361	3.14473	3.30205	0.070425	0.972111
XLOC_009270	SLC9A3R1	chr17:72744750-72765499	50.6049	53.1365	0.0704253	0.965148
XLOC_015737	TMEM115	chr3:50392179-50396939	38.0531	39.9595	0.070523	0.96513
XLOC_023674	VMA21	chrX:150565656-150577831	10.1749	10.685	0.0705702	0.966946
XLOC_005886	NUDT15	chr13:48611702-48621282	10.3599	10.8794	0.0705978	0.969963
XLOC_006701	RAB2B	chr14:21927178-21945132	3.61739	3.79889	0.0706296	0.975414
XLOC_018655	NUP153	chr6:17615268-17706818	6.0771	6.38203	0.0706342	0.966946
XLOC_022896	TLE1	chr9:84198597-84303596	6.75772	7.09683	0.0706387	0.97067
XLOC_013736	RBM38	chr20:55904830-55998278	35.9047	37.7073	0.0706689	0.979701
XLOC_013635	C20orf24,TGIF2,TGIF2-C20orf24	chr20:35201875-35274619	89.7355	94.2425	0.0706987	0.97028
XLOC_011236	ZNF587B	chr19:58341661-58357606	2.40029	2.52116	0.070877	0.976133
XLOC_013740	RAB22A	chr20:56884770-56942563	3.73647	3.92475	0.0709222	0.966946
XLOC_011297	LSM7	chr19:2321519-2328614	247.909	260.407	0.0709564	0.966442
XLOC_004528	TIMM8B	chr11:111944967-11195751	47.3241	49.7109	0.0709895	0.979701
XLOC_008520	ZNF747	chr16:30542778-30546194	5.97708	6.27918	0.0711358	0.977332
XLOC_001533	STIL	chr1:47715810-47779819	3.70623	3.89361	0.0711557	0.967901
XLOC_012580	AOX1	chr2:201450730-201536217	0.0808024	0.0848918	0.0712268	1
XLOC_021549	PROSC	chr8:37620100-37637286	30.3594	31.8964	0.0712498	0.965735
XLOC_011192	ZNF580	chr19:56152391-56154836	89.2051	93.7237	0.0712877	0.966946

XLOC_007688	CYP1A1	chr15:75011882-75017877	0.31663	0.33267	0.0712946	1
XLOC_010564	UBL5	chr19:9938555-9940797	529.839	556.682	0.0713018	0.965607
XLOC_015236	LOC152225	chr3:101659702-101716770	7.07327	7.43204	0.0713817	0.972176
XLOC_023995	MORF4L2	chrX:102930425-10294748	66.7607	70.1482	0.0714063	0.966946
XLOC_023846	PIM2	chrX:48770458-48776413	19.0406	20.0069	0.0714175	0.966946
XLOC_008395	CORO7_CORO7-PAM16,PA	chr16:4390251-4466962	150.466	158.105	0.0714443	0.978196
XLOC_003175	CHST15	chr10:125767181-12585312	8.72364	9.16734	0.0715725	0.967901
XLOC_000399	SCP2	chr1:53392900-53517289	31.1694	32.7548	0.0715778	0.965573
XLOC_007848	UBE2I	chr16:1359153-1377019	81.2376	85.3703	0.0715875	0.966409
XLOC_008556	MYLK3	chr16:46736193-46782221	0.0172844	0.0181643	0.0716405	1
XLOC_017190	ARHGEF28	chr5:72921982-73237818	10.7828	11.332	0.0716644	0.966946
XLOC_011380	ELAVL1	chr19:8023456-8070529	17.8952	18.8067	0.0716732	0.964792
XLOC_016873	SLC9B2	chr4:103946651-103998170	7.03334	7.39177	0.0717099	0.969752
XLOC_001505	ER13	chr1:44686741-44820939	53.6283	56.3634	0.0717655	0.965328
XLOC_001045	RPS6KC1	chr1:213224587-213446800	1.17383	1.23371	0.0717858	0.977332
XLOC_008947	ERAL1	chr17:27182042-27188072	48.8135	51.3074	0.0718892	0.96513
XLOC_006223	CARS2	chr13:111293756-11135884	51.3394	53.9684	0.0720483	0.965148
XLOC_003409	API5	chr11:43333504-43366080	24.4884	25.7426	0.0720568	0.963669
XLOC_012711	GIGYF2	chr2:233562014-233725280	5.6394	5.92825	0.072064	0.965698
XLOC_005520	ANKRD52	chr12:56623819-56652143	5.17722	5.44251	0.0720947	0.965148
XLOC_010678	MVB12A	chr19:17530911-17536140	61.5059	64.6577	0.0720988	0.966566
XLOC_012802	NT5C1B,NT5C1B-RDH14,R	chr2:18735988-18770846	10.5922	11.1353	0.0721343	0.97028
XLOC_000426	USP1	chr1:62901974-62917475	11.5551	12.1478	0.0721614	0.965607
XLOC_006738	RABGGTA	chr14:24734743-24740833	14.9019	15.6663	0.0721665	0.969272
XLOC_014701	YDJC	chr22:21982377-21984340	113.4	119.219	0.0721928	0.965328
XLOC_016868	PPP3CA	chr4:101944586-102268620	2.25657	2.37239	0.0722077	0.974044
XLOC_004942	GLI1	chr12:57853917-57873633	0.289372	0.304226	0.0722202	1
XLOC_005491	ATF7	chr12:53901639-54020199	3.18328	3.34676	0.0722504	0.987334
XLOC_008067	STX4	chr16:31044415-31051488	48.5473	51.0409	0.0722618	0.966215
XLOC_002043	MRPS14	chr1:174982093-17499259	10.6065	11.1514	0.0722773	0.966946
XLOC_004873	PRR13	chr12:53835432-53840427	89.7635	94.3758	0.0722871	0.96513
XLOC_009407	C17orf85	chr17:3710044-3749545	2.6262	2.76118	0.0723075	0.970195
XLOC_008054	PRR14	chr16:30662240-30667734	29.7981	31.3302	0.0723333	0.965573
XLOC_013188	NR4A2	chr2:157180943-157189287	0.357714	0.376122	0.0723952	0.986745
XLOC_015427	SMC4	chr3:160117429-16015274	6.65737	7.00013	0.0724303	0.966946
XLOC_004543	ZNF259	chr11:116649275-11665847	37.004	38.9114	0.0725105	0.965606
XLOC_012724	AGAP1	chr2:236402732-237040444	3.01207	3.16741	0.0725505	0.967901
XLOC_003234	PNPLA2	chr11:818900-825571	68.5625	72.0986	0.0725525	0.965515
XLOC_006740	CIDEB	chr14:24774392-24787242	1.5499	1.62986	0.0725726	0.990857
XLOC_003032	ATAD1	chr10:89512874-89577917	10.4752	11.0158	0.0725968	0.965607
XLOC_014518	YWHAH	chr22:32329506-32353590	60.454	63.5845	0.0728377	0.963669
XLOC_006044	USP12	chr13:27640286-27746033	6.27261	6.59752	0.072859	0.966946
XLOC_019065	SERINC1	chr6:122764492-122792952	17.9386	18.8681	0.0728842	0.962439
XLOC_014889	CDPF1	chr22:46639909-46646193	5.14042	5.40688	0.0729093	0.977707
XLOC_012254	TTC31	chr2:74699084-74721691	5.71348	6.00973	0.07293	0.984917
XLOC_008567	BRD7	chr16:50352928-50402845	26.0052	27.3541	0.0729574	0.963669
XLOC_008347	MSRB1	chr16:1988233-1993294	25.5596	26.8873	0.0730565	0.967624
XLOC_022045	STAU2	chr8:74332308-74659943	7.06196	7.42883	0.0730678	0.968205
XLOC_022903	HNRNPK	chr9:86582997-86595569	187.822	197.587	0.07312	0.965598
XLOC_023192	TPRN	chr9:140086068-14009516	48.5643	51.0911	0.0731759	0.963669
XLOC_010677	GTPBP3	chr19:17445790-17453540	19.2176	20.2175	0.073179	0.966521
XLOC_016872	SLC9B1	chr4:103790134-10394089	0.196054	0.206256	0.0731834	1
XLOC_022141	SYBU	chr8:110586404-110704020	6.89643	7.25565	0.073255	0.969716
XLOC_016683	TAPT1	chr4:16162127-16228161	2.19252	2.30675	0.0732693	0.974044
XLOC_005911	HNRNPA1L2	chr13:53191604-53217919	8.40276	8.8406	0.0732807	0.967901
XLOC_005514	DNAJC14	chr12:56211805-56236767	10.1898	10.7211	0.0733241	0.979701
XLOC_013877	CRNKL1	chr20:20015011-20341346	5.0197	5.28145	0.0733336	0.966946
XLOC_012944	RAB1A	chr2:65283494-65357435	42.0117	44.2031	0.0733559	0.965735
XLOC_013306	ORC2	chr2:201774893-20182842	3.24355	3.41284	0.0733971	0.973348
XLOC_012566	MYO1B	chr2:192110106-19229011	9.88449	10.4005	0.0734201	0.963266
XLOC_010666	TMEM38A	chr19:16771937-16799816	1.85577	1.95271	0.0734576	0.982703
XLOC_013694	CTSA	chr20:44517110-44541003	56.9658	59.9414	0.0734583	0.968205
XLOC_008742	C17orf97	chr17:260117-264457	6.24046	6.56651	0.073474	0.977512
XLOC_015654	ANO10	chr3:43407817-43663560	7.90989	8.32321	0.0734822	0.969073
XLOC_010422	TPGS1	chr19:507496-519654	16.8432	17.7237	0.0735091	0.979701
XLOC_000037	FAM213B	chr1:2517898-2564481	20.5394	21.6132	0.0735167	0.969963
XLOC_014400	PEX26	chr22:18560685-18573797	7.47821	7.86937	0.0735549	0.966946
XLOC_021976	PLAT	chr8:42032235-42065194	1.04517	1.09987	0.0735921	0.980177
XLOC_008587	FAM192A	chr16:57186377-57219976	16.6333	17.5039	0.0736043	0.962618
XLOC_022513	PRPF4	chr9:116037913-11605518	16.4715	17.3338	0.0736172	0.965353
XLOC_004550	BACE1	chr11:117103403-1171869	2.8014	2.94807	0.0736222	0.978188
XLOC_008474	EARS2	chr16:23533333-23568696	9.82089	10.3353	0.0736614	0.963669
XLOC_005889	RB1	chr13:48877882-49056026	5.36	5.64106	0.0737319	0.966045
XLOC_000748	ZBTB7B	chr1:154975105-15499100	10.468	11.017	0.0737444	0.966946
XLOC_009969	GRB2	chr17:73314156-73401790	39.5423	41.6186	0.0738322	0.962439
XLOC_011928	ZNF665	chr19:53666551-53696619	0.0171964	0.0180996	0.0738484	1
XLOC_014121	USP16	chr21:30396937-30426807	5.68022	5.97866	0.0738755	0.966946
XLOC_023422	GNL3L	chrX:54556643-54593720	3.31335	3.48755	0.0739198	0.965148
XLOC_009889	USP32	chr17:58254690-58469586	3.71256	3.90777	0.0739315	0.965328

XLOC_022691	TUBB4B	chr9:140135710-140142221	824.182	867.527	0.0739463	0.965227
XLOC_021127	YWHAG	chr7:75956107-75988342	37.0259	38.9751	0.0740169	0.963266
XLOC_016519	SMARCA5	chr4:144434615-144478641	8.91869	9.38899	0.0741383	0.96296
XLOC_022282	KDM4C	chr9:6720862-7175648	2.93975	3.09484	0.0741716	0.972432
XLOC_010663	AP1M1	chr19:16308664-16346156	18.1353	19.0924	0.0741958	0.96619
XLOC_010541	TRAPPC5	chr19:7745706-7747748	200.078	210.64	0.0742172	0.963209
XLOC_014736	TFIP11	chr22:26879849-26908437	12.3112	12.9618	0.0742984	0.974392
XLOC_020950	TWISTNB	chr7:19735084-19748660	4.93284	5.19358	0.0743102	0.966946
XLOC_003435	ATG13	chr11:46638825-46697568	11.8955	12.5244	0.0743233	0.962439
XLOC_003742	EED	chr11:85955805-85989785	12.5288	13.1912	0.0743294	0.965252
XLOC_008851	WDR16	chr17:9479943-9546776	0.0644013	0.0678078	0.074363	1
XLOC_001746	WARS2	chr1:119573838-119683291	5.32129	5.60312	0.0744555	0.967901
XLOC_012819	ITSN2	chr2:24425734-24583397	1.26827	1.33552	0.0745413	0.974585
XLOC_014978	RAB5A	chr3:19988571-20053765	13.7767	14.5073	0.0745485	0.96275
XLOC_003956	TOLLIP	chr11:1295597-1330892	22.2681	23.4498	0.0745979	0.961551
XLOC_011317	DAPK3	chr19:3958451-3969826	138.416	145.767	0.0746459	0.961224
XLOC_007777	AP3S2,C15orf38,C15orf38-A	chr15:90373830-90456222	13.086	13.782	0.074767	0.971854
XLOC_020886	DNAJB6	chr7:157129709-157210131	71.3687	75.165	0.0747698	0.962439
XLOC_022021	MYBL1	chr8:67474409-67525480	1.04329	1.09885	0.0748547	0.977332
XLOC_024078	MRNL3	chrX:131503342-131623991	0.269373	0.283725	0.0748921	1
XLOC_002851	ARHGAP21	chr10:24872537-25012597	4.79335	5.04888	0.0749286	0.962439
XLOC_003568	TMEM179B	chr11:62554873-62559486	59.4974	62.6705	0.0749597	0.966946
XLOC_014218	FAM207A	chr21:46359954-46396888	84.0592	88.5439	0.0749866	0.96513
XLOC_022589	ODF2	chr9:131217433-131263571	19.7974	20.8538	0.0750004	0.964339
XLOC_003495	CLP1	chr11:57425215-57429337	11.1846	11.782	0.0750773	0.966946
XLOC_017336	SMAD5	chr5:135465202-135518421	3.51305	3.70106	0.0752156	0.965573
XLOC_004138	LMO2	chr11:33880122-33913836	2.54731	2.68373	0.0752644	0.979701
XLOC_005741	SRSF9	chr12:120884240-12090751	299.607	315.653	0.0752679	0.966946
XLOC_011459	C19orf43	chr19:12841453-12845529	280.657	295.69	0.0752773	0.961224
XLOC_006312	SCFD1	chr14:31091459-31205033	7.64475	8.05486	0.0753898	0.966946
XLOC_020726	ARF5	chr7:127228405-127231751	306.776	323.237	0.0754081	0.962439
XLOC_023458	DLG3	chrX:69664704-69725339	7.17987	7.56541	0.0754593	0.962247
XLOC_003617	SCYL1	chr11:65292547-65325699	46.1677	48.6491	0.0755289	0.965573
XLOC_001058	IARS2	chr1:220046618-220321381	27.0602	28.5146	0.0755306	0.985921
XLOC_004015	OR51B5	chr11:5362112-5526882	0.520273	0.548253	0.0755725	0.990315
XLOC_006323	PSMA6	chr14:35761573-35786682	145.926	153.787	0.0756988	0.961224
XLOC_011049	MYH14	chr19:50706884-50813801	5.09838	5.37316	0.0757301	0.965515
XLOC_008142	COQ9	chr16:57462086-57495187	30.4543	32.0958	0.0757382	0.979701
XLOC_007552	MFAP1	chr15:44096732-44116951	16.1832	17.0556	0.0757451	0.96252
XLOC_012154	EML4	chr2:42396489-42559688	4.74665	5.00255	0.0757548	0.962247
XLOC_012481	TANC1	chr2:159825145-160089171	1.79975	1.89701	0.075932	0.966946
XLOC_014499	UQCRL10	chr22:30163357-30166402	89.4386	94.2724	0.0759378	0.960403
XLOC_001323	TMCO4	chr1:20008705-20126410	5.10512	5.38111	0.0759593	0.970195
XLOC_008249	CMIP	chr16:81478774-81745367	8.48124	8.9401	0.0760157	0.965148
XLOC_007120	ARHGAP11A	chr15:32907690-32931868	5.75736	6.06892	0.0760326	0.962215
XLOC_004627	NFRKB	chr11:129733669-12976541	5.60434	5.90764	0.0760386	0.963209
XLOC_014059	TAF4	chr20:60549853-60640866	4.35948	4.59556	0.0760837	0.969963
XLOC_007497	ZNF770	chr15:35270541-35280497	7.32582	7.72287	0.0761467	0.960711
XLOC_014581	XPNPEP3	chr22:41253084-41328823	4.24708	4.47739	0.0761851	0.978703
XLOC_004370	C11orf24	chr11:68028802-68039469	20.9554	22.0922	0.0762121	0.963748
XLOC_009141	PNPO	chr17:46018888-46026674	12.5906	13.2739	0.0762486	0.962247
XLOC_006899	ACYP1	chr14:75519927-75530736	14.0524	14.8162	0.0763522	0.974044
XLOC_002995	IKBKAP	chr9:111629799-111696601	4.74542	5.00336	0.0763625	0.962439
XLOC_005497	SMUG1	chr12:54574141-54582778	33.7072	35.5398	0.0763754	0.974044
XLOC_017529	CANX	chr5:179125929-179158631	83.2035	87.7307	0.0764375	0.96128
XLOC_005023	NUDT4	chr12:93771700-93797024	15.6185	16.4683	0.0764382	0.960763
XLOC_009414	MYBBP1A	chr17:4402128-4458681	25.4578	26.8433	0.0764532	0.96103
XLOC_011422	KRI1	chr19:10654646-10676702	20.1106	21.2052	0.076458	0.968521
XLOC_013612	RALY	chr20:32581457-32670991	46.2691	48.7885	0.0764893	0.96128
XLOC_002466	UBE2D1	chr10:60094738-60130513	10.0081	10.5531	0.0764939	0.962247
XLOC_023484	UPRT	chrX:74493893-74524732	5.89592	6.17866	0.0765129	0.96926
XLOC_013336	IDH1	chr2:209100952-209119801	13.2812	14.005	0.0765554	0.961224
XLOC_006331	GEMIN2	chr14:39583487-39606177	8.78894	9.26814	0.07659	0.969963
XLOC_012131	TTC27	chr2:32853086-33046118	7.51269	7.92293	0.076704	0.965515
XLOC_004121	CCDC34	chr11:27360060-27384795	8.3741	8.8315	0.0767233	0.970195
XLOC_003789	BIRC2	chr11:102217912-10224941	13.5861	14.3284	0.0767408	0.963457
XLOC_002111	WBSCR27	chr7:73248920-73256855	12.1546	12.8186	0.0767465	0.976595
XLOC_021411	PAXIP1	chr7:154720226-154794681	5.73101	6.0442	0.0767622	0.966946
XLOC_009438	KIAA0753	chr17:6481644-6554954	1.81801	1.91738	0.0767697	0.991767
XLOC_016269	TBC1D19	chr4:26585545-26756918	1.76981	1.8666	0.0768137	0.978551
XLOC_003399	PDHX	chr11:34903842-35017675	9.67594	10.2052	0.0768308	0.977332
XLOC_022224	FAM83H	chr8:144806102-144815914	31.7778	33.5177	0.0769049	0.959465
XLOC_004656	TEAD4	chr12:3068477-3149842	44.3273	46.7544	0.0769068	0.959465
XLOC_021417	LMBR1	chr7:156473569-156685901	8.19457	8.64327	0.0769095	0.961224
XLOC_003645	BBS1	chr11:66278118-66301084	3.13239	3.304	0.0769475	0.972601
XLOC_012781	ITGB1BP1	chr2:9545814-9563643	28.5978	30.1647	0.0769584	0.959465
XLOC_000822	USP21	chr1:161129253-161135511	14.9177	15.7351	0.0769659	0.965148
XLOC_023558	NXT2	chrX:108779009-108787921	1.92498	2.03048	0.0769743	0.976618
XLOC_019134	PPIL4	chr6:149825630-149867231	7.37123	7.77536	0.077003	0.965148

XLOC_004623	KCNJ1	chr11:128707908-12873724	0.0278677	0.0293983	0.0771376	1
XLOC_001374	UBXN11	chr1:26608772-26647014	11.1013	11.7114	0.0771875	0.972989
XLOC_012240	SMYD5	chr2:73441365-73454355	21.7491	22.9446	0.077197	0.959465
XLOC_022788	AQP3	chr9:33441151-33447631	0.124215	0.131045	0.0772259	1
XLOC_012482	MARCH7	chr2:160569009-160625084	12.6827	13.3802	0.0772327	0.959465
XLOC_010810	CAPNS1	chr19:36630917-36641255	262.185	276.637	0.0774119	0.959465
XLOC_015948	FAM86HP	chr3:129800673-129830274	1.01226	1.06818	0.07757	0.982492
XLOC_014543	GGA1	chr22:38004480-38029571	29.058	30.666	0.0777049	0.959465
XLOC_003149	HSPA12A	chr10:118430702-11850208	1.51113	1.59479	0.077741	0.972374
XLOC_019116	CITED2	chr6:139693391-139695787	6.86243	7.24239	0.0777476	0.970195
XLOC_007411	LOC100507118	chr15:91509267-91537881	6.05952	6.39504	0.0777483	0.989598
XLOC_012117	WDR43	chr2:29117532-29171080	20.6373	21.7802	0.077765	0.958814
XLOC_000691	PSMD4	chr1:151227196-151239954	161.062	169.989	0.077825	0.960883
XLOC_012539	PLEKHA3	chr2:179059207-179672150	5.97573	6.30742	0.0779347	0.984917
XLOC_008398	UBALD1	chr16:4658883-4664927	45.1236	47.6311	0.0780211	0.961432
XLOC_008557	C16orf87	chr16:46835958-46865074	2.75849	2.91179	0.0780267	0.977332
XLOC_006849	WDR89	chr14:64063756-64108641	2.96578	3.13062	0.0780369	0.970195
XLOC_014021	B4GALT5	chr20:48249482-48330421	10.1388	10.7027	0.0780978	0.958719
XLOC_017548	ZDHHHC11	chr5:795719-851101	3.25953	3.44098	0.0781551	0.973792
XLOC_020590	DBF4	chr7:87463813-87538856	6.23037	6.54842	0.078164	0.967901
XLOC_000957	NEK7	chr1:198126107-198291548	2.82865	2.98627	0.0782309	0.968055
XLOC_018264	MAPK13	chr6:36098260-36112301	13.4407	14.1898	0.078247	0.959709
XLOC_008343	HAGH	chr16:1859103-1877195	38.3514	40.4901	0.0782896	0.961224
XLOC_009377	SCARF1	chr17:1537151-1549041	0.563119	0.594549	0.0783566	0.984917
XLOC_006665	MTA1	chr14:105886185-10593708	42.272	44.6357	0.078495	0.958902
XLOC_008526	C16orf93	chr16:30759619-30787628	2.50834	2.64863	0.0785145	0.99634
XLOC_006521	AK7	chr14:96858447-96955764	0.123008	0.129888	0.078526	1
XLOC_010760	CEBPG	chr19:33864574-33873592	21.2478	22.4368	0.0785528	0.963451
XLOC_005645	IKBIP	chr12:99007181-99038829	12.6185	13.3255	0.078641	0.97135
XLOC_024108	MMGT1	chrX:135044230-135056134	6.88165	7.26746	0.0786977	0.964792
XLOC_023071	GOLGA1	chr9:127640572-127703388	5.04462	5.32754	0.0787249	0.962935
XLOC_021494	NPM2	chr8:21882353-21894408	20.278	21.4154	0.0787301	0.966946
XLOC_005242	NOP2	chr12:6666035-6677498	29.5367	31.1934	0.0787316	0.959465
XLOC_001495	LEPRE1	chr1:43212005-43232755	17.2123	18.1786	0.0787988	0.959465
XLOC_022391	C9orf85	chr9:74526422-74588371	7.95199	8.39857	0.0788278	0.969075
XLOC_007917	GLIS2	chr16:4382224-4389598	12.0849	12.7644	0.0789246	0.962618
XLOC_012991	MOGS	chr2:74688183-74692537	44.9611	47.4898	0.07894	0.959465
XLOC_004840	GPD1	chr12:50497601-50505103	0.110085	0.116276	0.0789418	1
XLOC_010368	MBD1	chr18:47793251-47808144	14.1888	14.9869	0.0789466	0.961224
XLOC_015627	CLASP2	chr3:33537738-33759705	2.19819	2.32192	0.0790001	0.965735
XLOC_009243	NOL11	chr17:65714060-65740266	16.8224	17.7705	0.0791036	0.95884
XLOC_022804	SIGMAR1	chr9:34634718-34637768	144.717	152.876	0.0791316	0.958814
XLOC_018257	FANCE	chr6:35420137-35434881	13.954	14.741	0.0791584	0.961319
XLOC_006200	GGACT	chr13:100741268-10124104	1.42382	1.50416	0.0791824	0.987627
XLOC_001208	CDK11A,CDK11B	chr1:1571099-1655791	15.0477	15.897	0.0792105	0.977332
XLOC_001435	SMIM12	chr1:35315962-35325417	5.59988	5.91605	0.0792379	0.959457
XLOC_016889	CASP6	chr4:110609784-110624628	12.212	12.9014	0.0792381	0.965573
XLOC_008340	MRPS34	chr16:1821895-1823140	175.351	185.253	0.0792456	0.957891
XLOC_017760	EFNA5	chr5:106712589-107006594	1.1106	1.17333	0.079274	0.976214
XLOC_005669	NUAK1	chr12:106457124-10653387	1.16117	1.22676	0.0792746	0.974044
XLOC_000752	EFNA3	chr1:155051347-155060014	33.9432	35.8609	0.0792885	0.962922
XLOC_001433	PHC2	chr1:33789223-33841194	128.305	135.56	0.0793469	0.959465
XLOC_020619	LMTK2	chr7:97736196-97838944	3.70843	3.91813	0.0793568	0.961224
XLOC_006756	HECTD1	chr14:31569323-31676689	3.25466	3.43871	0.0793589	0.959465
XLOC_017517	B4GALT7	chr5:177027118-177037344	32.4461	34.281	0.0793605	0.959465
XLOC_008168	C16orf70	chr16:67143914-67184902	5.15451	5.44605	0.0793743	0.977332
XLOC_011969	TMEM238	chr19:55890611-55895627	21.8835	23.1225	0.0794557	0.979701
XLOC_001633	ZNHIT6	chr1:86115105-86174116	5.09497	5.38351	0.079472	0.959683
XLOC_015348	CDV3	chr3:133292433-133309118	35.8009	37.8284	0.0794745	0.958814
XLOC_013873	RBBP9	chr20:18467187-18477887	2.82156	2.98137	0.0794821	0.969296
XLOC_016072	KCNMB3	chr3:178957536-178984838	0.648632	0.685422	0.0795914	0.986822
XLOC_018830	TEAD3	chr6:35441373-35464861	11.465	12.1156	0.0796233	0.96128
XLOC_008630	RANBP10	chr16:67757004-67840555	5.09901	5.38846	0.0796548	0.963457
XLOC_010054	DUS1L	chr17:80015747-80023697	58.377	61.6911	0.0796632	0.958902
XLOC_023186	SAPCD2	chr9:139956578-139965028	52.7707	55.767	0.0796736	0.956807
XLOC_018468	NUS1	chr6:117996616-118031884	11.0611	11.6892	0.0796753	0.958902
XLOC_015461	TTC14	chr3:180319917-180328918	1.47048	1.55399	0.0796921	0.977103
XLOC_023335	DDX3X	chrX:41192650-41209524	28.579	30.2025	0.0797081	0.959465
XLOC_000891	DARS2	chr1:173793796-173827688	6.11968	6.46856	0.0799881	0.963669
XLOC_012862	NLRC4	chr2:32449517-32490812	0.14264	0.150773	0.0800032	1
XLOC_005269	FAM86FP	chr12:8383644-8395542	1.60148	1.69282	0.0800287	0.979701
XLOC_005106	MAPKAPK5	chr12:112277572-11233122	11.0266	11.6563	0.0801128	0.974249
XLOC_020734	METTL2B	chr7:128116782-128142978	6.12179	6.47141	0.0801249	0.966946
XLOC_007140	BUB1B,PAK6	chr15:40453209-40569688	17.4232	18.4192	0.0802037	0.959024
XLOC_018036	FARS2	chr6:5261583-5771816	8.05489	8.51547	0.0802217	0.966946
XLOC_005542	NDUFA4L2	chr12:57623355-57634475	1.69245	1.78928	0.0802627	0.997036
XLOC_002400	MAP3K8	chr10:30722949-30750762	1.03167	1.0907	0.0802696	0.979701
XLOC_013720	BCAS4	chr20:49411466-49493714	25.6542	27.1226	0.080303	0.96128
XLOC_018302	CNPY3	chr6:42896859-42907008	55.9467	59.1512	0.0803536	0.956807

XLOC_002564	FAM22A	chr10:88985204-88994733	0.753943	0.797214	0.080512	0.980095
XLOC_006933	CCDC88C	chr14:91737666-91884188	3.36826	3.56158	0.0805145	0.963457
XLOC_014954	MKNR2	chr3:12598512-12705700	10.0812	10.6599	0.0805269	0.982599
XLOC_004841	COX14	chr12:50505763-50514240	60.0708	63.5196	0.0805365	0.961224
XLOC_005176	FAM101A,ZNF664,ZNF664-	chr12:124457761-12480057	17.8972	18.9248	0.0805416	0.956807
XLOC_016844	NAP1L5	chr4:89513573-89629693	1.14137	1.2069	0.0805471	0.991459
XLOC_007873	MLST8	chr16:2255177-2261069	74.7355	79.0269	0.0805493	0.958201
XLOC_001770	GPR89A	chr1:145764594-145827103	4.55277	4.81435	0.0805949	0.970195
XLOC_007999	PLK1	chr16:23690200-23724821	64.1035	67.7871	0.0806079	0.958814
XLOC_022471	NANS	chr9:100818958-100881488	122.502	129.543	0.0806237	0.968205
XLOC_014013	SLC13A3,TP53RK	chr20:45186461-45318276	6.22268	6.58033	0.080624	0.961224
XLOC_003594	RPS6KA4	chr11:64126624-64139687	38.2596	40.4603	0.0806836	0.956373
XLOC_015997	CP	chr3:148847370-148939833	1.53345	1.62169	0.0807183	0.979733
XLOC_017600	ZFR	chr5:32354455-32444844	6.94709	7.34685	0.0807184	0.958201
XLOC_011242	ZNF544	chr19:58740069-58775008	4.4404	4.69604	0.0807542	0.964431
XLOC_006735	MDP1,NEDD8,NEDD8-MDP	chr14:24683142-24701576	285.686	302.138	0.0807735	0.957925
XLOC_006641	EIF5	chr14:103800338-10381136	22.6373	23.9412	0.0807924	0.958814
XLOC_012191	VRK2	chr2:58273776-58468515	2.3601	2.49607	0.0808124	0.987693
XLOC_016994	CBR4	chr4:169908741-169931468	4.6338	4.9008	0.0808209	0.963669
XLOC_008070	KAT8	chr16:31128984-31142714	21.618	22.8643	0.0808636	0.959465
XLOC_011071	ZNF175	chr19:52074530-52092991	1.48734	1.57309	0.0808661	0.973348
XLOC_006926	EML5	chr14:89081173-89259096	0.198817	0.210282	0.0808842	1
XLOC_006940	NDUFB1	chr14:92582467-92588153	173.664	183.679	0.0808932	0.958201
XLOC_008699	HSDL1	chr16:84155743-84178800	5.94644	6.28941	0.0808988	0.960403
XLOC_014054	ATP5E,SLMO2	chr20:57603732-57617901	698.178	738.451	0.0809066	0.972228
XLOC_006631	DYNC1H1	chr14:102430864-10251713	19.9299	21.08	0.0809446	0.958814
XLOC_017743	MCTP1	chr5:94042288-94620279	4.53338	4.79504	0.0809564	0.963669
XLOC_015930	TPRA1	chr3:127291906-127309602	47.9991	50.7715	0.0810113	0.957507
XLOC_017782	PPIC	chr5:122359077-122372428	13.1025	13.8596	0.0810461	0.966442
XLOC_020906	BRAT1	chr7:2577443-2595392	20.9754	22.1876	0.0810605	0.959465
XLOC_000500	LRRRC8D	chr1:90286572-90401989	5.95584	6.3001	0.0810699	0.963219
XLOC_004746	EMP1	chr12:13349601-13369708	41.5849	43.9892	0.0810874	0.957343
XLOC_015391	HPS3	chr3:148847370-148939833	2.79706	2.95898	0.0811884	0.976214
XLOC_020524	TMEM248	chr7:66386202-66423538	17.049	18.0362	0.0812028	0.956807
XLOC_021490	ATP6V1B2	chr8:20054703-20079207	31.9122	33.7611	0.0812519	0.958201
XLOC_003445	NDUFS3	chr11:47586981-47606115	99.1538	104.899	0.0812603	0.976198
XLOC_016917	ANXA5	chr4:122589151-122618147	257.737	272.683	0.0813232	0.957343
XLOC_003671	LRP5	chr11:68080107-68216743	11.981	12.6758	0.0813353	0.959465
XLOC_012700	PTMA	chr2:232573234-232578257	1140.24	1206.42	0.0814035	0.961224
XLOC_016639	TNIP2	chr4:2743386-2758103	48.2945	51.1005	0.0814775	0.956657
XLOC_016559	RAPGEF2	chr4:160188997-160281307	1.59007	1.68248	0.0814942	0.966946
XLOC_015945	MBD4	chr3:129149786-129239197	8.05181	8.51977	0.081501	0.976595
XLOC_020907	GNA12	chr7:2767740-2883959	7.29243	7.71637	0.0815243	0.96128
XLOC_008152	CCDC113	chr16:58283839-58328951	1.16199	1.22961	0.0815978	0.974392
XLOC_009074	TUBG1	chr17:40731525-40767256	42.5708	45.0495	0.081649	0.974585
XLOC_021481	VPS37A	chr8:17104400-17271040	3.23308	3.4214	0.0816757	0.970195
XLOC_005864	SLC25A15	chr13:41363546-41495910	4.82295	5.10403	0.0817213	0.969075
XLOC_021223	ACHE	chr7:100487614-100493547	4.8115	5.09208	0.0817684	0.972601
XLOC_023532	WBP5	chrX:102611379-102613397	45.7298	48.3968	0.0817771	0.958459
XLOC_018020	IRF4	chr6:391738-411443	0.0625675	0.0662182	0.081815	1
XLOC_007757	SEC11A	chr15:85212767-85259691	163.063	172.578	0.0818162	0.957925
XLOC_011290	MOB3A	chr19:2071034-2096269	9.67955	10.2445	0.081836	0.961224
XLOC_012155	MTA3	chr2:42795670-42936353	11.5449	12.2188	0.081844	0.961224
XLOC_000222	STX12	chr1:28099693-28150963	10.0534	10.6403	0.0818542	0.958201
XLOC_009083	AOC3	chr17:41003200-41010140	0.837324	0.886221	0.0818804	0.979484
XLOC_006036	PARP4	chr13:24995068-25086948	13.8532	14.6627	0.0819353	0.955406
XLOC_002726	SEC23IP	chr10:121652084-12170417	2.93587	3.10748	0.0819601	0.96115
XLOC_017812	CDKL3	chr5:133634114-133702768	0.669744	0.708913	0.0819986	0.981575
XLOC_001616	USP33	chr1:78161673-78225564	6.19583	6.55841	0.08205	0.959293
XLOC_014150	ITSN1	chr21:35014783-35261609	1.51178	1.60034	0.082126	0.969241
XLOC_018336	CD2AP	chr6:47445524-47594996	5.49719	5.81924	0.0821362	0.958814
XLOC_002239	TTC13	chr1:231041986-231114618	1.38621	1.46744	0.0821535	0.976595
XLOC_023710	ATP6AP1	chrX:153656977-153664867	66.436	70.3331	0.0822388	0.956657
XLOC_003380	ARL14EP	chr11:30344648-30359165	5.52006	5.84397	0.0822662	0.966946
XLOC_003723	UVRAG	chr11:75526211-75855282	1.54167	1.63222	0.082336	0.969877
XLOC_010565	PIN1	chr19:9945882-9960365	89.5959	94.8606	0.0823758	0.954768
XLOC_020414	TAX1BP1	chr7:27778991-27869386	13.0974	13.8671	0.0823868	0.955758
XLOC_007904	IL32	chr16:3115312-3119668	370.739	392.553	0.0824836	0.958814
XLOC_015338	NEK11	chr3:130745693-131100318	0.500316	0.529758	0.0824943	0.98985
XLOC_000293	C1orf122	chr1:38268613-38275126	66.094	69.9856	0.0825382	0.977852
XLOC_008858	MAP2K4	chr17:11924134-12047051	5.75844	6.09786	0.0826253	0.959465
XLOC_007795	ADAMTS17	chr15:100511642-10088218	0.0687634	0.0728166	0.0826262	1
XLOC_021281	FAM3C	chr7:120988904-121036422	20.5133	21.7225	0.0826349	0.95534
XLOC_010937	GEMIN7	chr19:45582517-45594782	25.0501	26.5277	0.0826795	0.959465
XLOC_009826	HOXB13	chr17:46802126-46806111	1.76649	1.87069	0.0826895	0.976618
XLOC_001377	GPN2	chr1:27205872-27216869	25.4475	26.9502	0.0827757	0.959735
XLOC_006793	RPL36AL	chr14:50085406-50087349	572.151	605.939	0.0827771	0.957206
XLOC_018040	DSP	chr6:7541869-7586946	2.3356	2.47355	0.0827858	0.96128
XLOC_015230	TRMT10C	chr3:101280679-101285290	24.5449	25.9954	0.0828341	0.956382

XLOC_012972	MCEE	chr2:71336805-71357394	4.12723	4.37135	0.0829037	0.977332
XLOC_011439	ELOF1	chr19:11663857-11670051	102.655	108.733	0.0829753	0.956373
XLOC_023270	OFD1	chrX:13752831-13787480	5.14855	5.45348	0.0830129	0.960071
XLOC_018779	NELFE	chr6:31919863-31937532	75.3081	79.7713	0.0830649	0.965148
XLOC_009990	RHBDF2	chr17:74466974-74497509	5.26695	5.57912	0.0830714	0.966946
XLOC_008720	CYBA	chr16:88709696-88717492	365.773	3871.464	0.0831126	0.955709
XLOC_001480	TRIT1	chr1:40306705-40349177	14.5199	15.3815	0.0831716	0.959293
XLOC_019025	SEC63	chr6:108188959-108279482	5.18721	5.49505	0.0831735	0.956373
XLOC_016996	NEK1	chr4:170314420-170533778	1.04866	1.11093	0.0832272	0.969526
XLOC_004492	MMP1	chr11:102654406-10271434	0.188975	0.200197	0.0832286	1
XLOC_020849	REPIN1	chr7:150065878-150071133	102.586	108.681	0.0832672	0.956373
XLOC_007472	NDNL2	chr15:29412454-29862927	17.2914	18.3188	0.083275	0.958814
XLOC_014741	PITPNB	chr22:28247656-28315255	18.0844	19.1595	0.0833161	0.956657
XLOC_014682	TXNRD2	chr22:19863039-20004309	22.6995	24.0497	0.0833546	0.985283
XLOC_008285	SNAI3-AS1	chr16:88729780-88753594	1.17022	1.23984	0.0833764	0.991314
XLOC_004162	ARHGAP1	chr11:46698624-46722215	18.8412	19.9635	0.0834691	0.955075
XLOC_013173	GTDC1	chr2:144703580-145090083	1.21687	1.28936	0.0834893	0.977039
XLOC_014371	UBE2G2	chr21:46188494-46221751	19.8288	21.0104	0.0835104	0.95534
XLOC_007220	MAPK6	chr15:52311410-52358462	7.3496	7.78809	0.0836043	0.957925
XLOC_008403	GLYR1	chr16:4853203-4897303	11.521	12.2085	0.0836146	0.95534
XLOC_009432	DHX33	chr17:5344231-5372380	8.83648	9.36404	0.0836605	0.956807
XLOC_019126	SF3B5	chr6:144416017-144416754	284.839	301.847	0.0836718	0.956033
XLOC_005948	NDFIP2	chr13:80051498-80130212	6.65678	7.05449	0.0837187	0.955758
XLOC_014321	PIGP	chr21:38437663-38445458	30.3829	32.1986	0.0837378	0.959465
XLOC_018535	LTV1	chr6:144164507-144184943	14.2668	15.1198	0.0837724	0.957152
XLOC_015344	UBA5	chr3:132276981-132593050	10.1404	10.7466	0.0837785	0.974044
XLOC_005695	ARPC3	chr12:110872705-110888151	284.661	301.684	0.0837941	0.956807
XLOC_007693	COX5A	chr15:75212616-75230495	332.311	352.204	0.0838758	0.95534
XLOC_002502	PALD1	chr10:72238563-72328206	9.43224	9.99733	0.0839422	0.957925
XLOC_005592	KRR1	chr12:75874512-75905418	16.9732	17.9901	0.0839478	0.976618
XLOC_012226	MXD1	chr2:70142172-70170076	6.43018	6.81571	0.084005	0.958201
XLOC_004167	ARFGAP2	chr11:46958250-47198676	25.7538	27.2986	0.0840444	0.966946
XLOC_016871	UBE2D3	chr4:103717132-103790033	114.492	121.362	0.0840708	0.956373
XLOC_016824	LIN54	chr4:83845755-83934040	1.96685	2.08493	0.0841145	0.965735
XLOC_003226	PHRF1	chr11:576482-612222	8.84766	9.37951	0.0842174	0.958814
XLOC_011271	POLR2E	chr19:1065921-1095391	80.852	85.715	0.0842647	0.966946
XLOC_022396	OSTF1	chr9:77703397-77762114	16.8206	17.8325	0.0842792	0.959465
XLOC_022891	RFK	chr9:79000432-79009444	10.3368	10.9588	0.0842965	0.957343
XLOC_016761	UBA6	chr4:68481478-68566889	6.4508	6.8392	0.0843488	0.95534
XLOC_020865	CHPF2	chr7:150929584-150935905	36.0863	38.2596	0.0843703	0.978196
XLOC_023578	PLS3	chrX:114795176-114885171	11.5128	12.2069	0.0844628	0.954657
XLOC_020961	IGF2BP3	chr7:23349827-23509995	5.34869	5.67156	0.0845601	0.959465
XLOC_000250	KPNA6	chr1:32573643-32642168	8.16992	8.66326	0.0845894	0.954768
XLOC_003576	MARK2	chr11:63606399-63678492	10.9061	11.565	0.0846206	0.957206
XLOC_014033	ZFP64	chr20:50700549-50808524	6.02657	6.39078	0.0846545	0.963669
XLOC_021122	HIP1	chr7:75162618-75368283	3.9503	4.1893	0.0847481	0.956807
XLOC_020623	TRRAP	chr7:98476112-98610866	5.41954	5.74769	0.0848118	0.954768
XLOC_002681	SFR1	chr10:105881815-10588614	4.68523	4.96896	0.084825	0.970346
XLOC_017808	C5orf15	chr5:133291197-133304406	11.1892	11.8669	0.0848349	0.956807
XLOC_012077	CENPO	chr2:25013135-25142055	3.77773	4.00666	0.0848828	0.987693
XLOC_015839	CPOX	chr3:98298289-98312455	10.5661	11.2069	0.0849425	0.957782
XLOC_004343	SLC29A2	chr11:66129991-66139291	13.5896	14.4147	0.0850366	0.958201
XLOC_002216	LIN9	chr1:226418849-226497445	1.62444	1.72314	0.0850929	0.972176
XLOC_004245	VPS37C	chr11:60897727-60928916	13.3921	14.2069	0.0852074	0.956807
XLOC_000882	METT13	chr1:171750760-171766856	11.8745	12.597	0.0852118	0.95534
XLOC_010271	METT14	chr18:2537523-2571489	1.77916	1.88751	0.0852851	0.968521
XLOC_010781	USF2	chr19:35759895-35770718	93.6297	99.3323	0.0852981	0.954188
XLOC_011201	ZNF444	chr19:56652534-56672262	22.9109	24.3068	0.085329	0.959722
XLOC_014299	SYNJ1	chr21:34001068-34100351	0.66645	0.707065	0.0853476	0.972111
XLOC_009913	TEX2	chr17:62224794-62340653	2.05649	2.18182	0.0853481	0.965607
XLOC_020671	SH2B2	chr7:101928404-101962178	15.5385	16.4862	0.0854127	0.965607
XLOC_012337	MAP4K4	chr2:102314164-102511152	7.06949	7.50088	0.085454	0.954768
XLOC_004982	YEATS4	chr12:69753531-69784576	25.1195	26.6525	0.0854617	0.956657
XLOC_012352	C2orf49	chr2:105954012-105961984	8.59203	9.11648	0.0854786	0.967901
XLOC_003386	EIF3M	chr11:32605312-32816187	123.67	131.219	0.0854834	0.957152
XLOC_012472	ARL6IP6	chr2:153574406-153617767	5.21345	5.53178	0.0855061	0.964792
XLOC_022203	ARC	chr8:143692404-143695833	4.96268	5.26573	0.0855137	0.970195
XLOC_011289	MKNK2	chr19:2037469-2051243	50.6142	53.7053	0.0855201	0.96103
XLOC_016962	FBXW7	chr4:153242409-153456393	2.93745	3.11704	0.0856098	0.965148
XLOC_006901	TMED10	chr14:75598170-75643349	26.0249	27.6163	0.0856298	0.954559
XLOC_018448	SLC16A10	chr6:111408780-111544606	1.36041	1.44363	0.0856529	0.976617
XLOC_011632	LOC284412	chr19:37756840-37759912	0.370433	0.393093	0.0856589	0.985283
XLOC_014594	SREBF2	chr22:42229105-42302375	30.8819	32.7714	0.0856789	0.954677
XLOC_011370	PEX11G	chr19:7541755-7553924	2.87609	3.05219	0.0857386	0.979875
XLOC_011241	ZNF274	chr19:58694395-58724927	0.0707917	0.0751275	0.0857615	1
XLOC_017694	FOXD1	chr5:72742084-72744352	93.1782	98.895	0.0859053	0.954559
XLOC_011614	ALKBH6	chr19:36500021-36505141	18.2788	19.4008	0.085942	0.966946
XLOC_004390	ANAPC15	chr11:71709957-71823822	22.4965	23.8774	0.085946	0.991767
XLOC_020353	WIPI2	chr7:5229834-5273486	26.8812	28.5336	0.0860627	0.954559

XLOC_018997	MDN1	chr6:90353230-90529442	0.695979	0.738793	0.086127	0.96128
XLOC_001006	SRGAP2,SRGAP2C,SRGAP	chr1:206516199-20663778:	4.78588	5.08031	0.0861322	0.964792
XLOC_003007	AP3M1	chr10:75880014-75910826	6.48334	6.88226	0.0861453	0.954768
XLOC_012560	PMS1	chr2:190634992-19074235:	3.55114	3.76972	0.0861752	0.985921
XLOC_015724	TRAIIP	chr3:49866027-49893992	6.58785	6.99379	0.0862686	0.961224
XLOC_023259	MSL3	chrX:11776277-11793872	13.9366	14.7955	0.0862798	0.955406
XLOC_002184	GPATCH2	chr1:217603833-21780440:	0.855797	0.908554	0.086304	0.979452
XLOC_007916	DNASE1	chr16:3702939-3767598	0.568621	0.603685	0.0863277	0.996631
XLOC_000746	FLAD1	chr1:154955769-15496558:	30.2282	32.0922	0.0863303	0.95467
XLOC_010803	APLP1	chr19:36359400-36370699	15.3775	16.3264	0.0863857	0.956807
XLOC_005074	POLR3B	chr12:106751435-1072830:	0.975113	1.03529	0.0863912	0.984917
XLOC_010805	LRFN3	chr19:36428021-36436097	11.5107	12.2223	0.086542	0.962247
XLOC_022269	CDC37L1	chr9:4679565-4706594	6.47069	6.87076	0.0865499	0.964222
XLOC_007599	RFX7	chr15:56382730-56535483	1.83546	1.94905	0.0866347	0.962228
XLOC_002338	ATP5C1	chr10:7830092-7849762	216.806	230.235	0.0867016	0.953837
XLOC_021792	MAF1	chr8:145159304-14516251:	206.165	218.937	0.0867176	0.954559
XLOC_009364	FAM101B	chr17:289770-295731	0.137764	0.146299	0.0867273	1
XLOC_012648	BCS1L	chr2:219524378-21952816:	24.7689	26.3038	0.0867442	0.95534
XLOC_012234	MPHOSPH10	chr2:71357443-71377232	8.54826	9.07803	0.0867481	0.956382
XLOC_004255	FADS3	chr11:61640997-61659006	63.849	67.8069	0.0867679	0.954188
XLOC_013469	PDCD1	chr2:242792032-24280105:	0.11246	0.119431	0.0867734	1
XLOC_014297	TCP10L	chr21:33947150-33957845	0.779162	0.827467	0.0867799	0.979701
XLOC_021215	SAP25	chr7:100169852-10017127:	1.32868	1.41106	0.086792	0.987627
XLOC_011981	ZNF787	chr19:56598731-56632649	73.483	78.0407	0.0868172	0.954559
XLOC_022216	MAFA	chr8:144510229-14451260:	5.31841	5.64837	0.0868395	0.973348
XLOC_022976	ALG2	chr9:101978706-10198424:	16.31	17.3233	0.0869596	0.954559
XLOC_016300	GUF1	chr4:44680432-44702697	7.845	8.33242	0.0869626	0.954768
XLOC_000277	ZMYM4	chr1:35734567-35887545	3.36965	3.57911	0.0870042	0.956373
XLOC_017217	RASGRF2	chr5:80256507-81047072	0.0682779	0.0725234	0.0870269	1
XLOC_013794	PRPF6	chr20:62612430-62664453	30.8503	32.7686	0.0870271	0.951888
XLOC_007342	ZFAND6	chr15:80351909-80430735	25.8503	27.4585	0.0870704	0.95534
XLOC_021467	GATA4	chr8:11561716-11617509	7.22123	7.67067	0.0871082	0.961432
XLOC_023012	PTBP3	chr9:114758831-11511254:	9.16259	9.73362	0.0872215	0.970195
XLOC_013508	AP5S1	chr20:3801170-3805954	5.9325	6.30233	0.0872443	0.967289
XLOC_009547	B9D1	chr17:19240866-19290532	28.0614	29.8127	0.0873399	0.978196
XLOC_015855	CD47	chr3:107761940-10780993:	7.22588	7.67689	0.0873498	0.952905
XLOC_005806	MRP63	chr13:21727733-21753220	28.3889	30.1617	0.0873907	0.970869
XLOC_004389	LAMTOR1	chr11:71709957-71823822	98.694	104.862	0.0874624	0.977424
XLOC_013114	DDX11L2	chr2:114341229-11436129:	0.458836	0.487575	0.0874755	0.995874
XLOC_010290	AFG3L2	chr18:12328942-12377275	33.9243	36.0455	0.0874979	0.950929
XLOC_013940	EDEM2	chr20:33703159-33735161	10.6432	11.3093	0.0875803	0.958853
XLOC_001336	EIF4G3	chr1:21132784-21503381	3.20278	3.4033	0.0876113	0.95534
XLOC_009560	C17orf51	chr17:21431570-21454941	3.27336	3.47833	0.0876223	0.95534
XLOC_015845	TOMM70A	chr3:100082302-10017517:	18.1724	19.3104	0.0876298	0.952905
XLOC_014308	CRYZL1	chr21:34961647-35014160	4.95768	5.26827	0.0876645	0.965607
XLOC_001972	DEDD	chr1:161070345-16110247:	20.1543	21.4179	0.0877308	0.987627
XLOC_005760	ZCCHC8	chr12:122956145-1229855:	4.77245	5.0719	0.0877965	0.959465
XLOC_015678	SCAP	chr3:47455183-47517445	26.5926	28.2613	0.0878034	0.952371
XLOC_006116	SUCLA2	chr13:48516790-48575462	6.98645	7.4249	0.0878121	0.958201
XLOC_001764	PDE4DIP	chr1:144851423-14507618:	0.539632	0.573498	0.0878146	0.977017
XLOC_022607	TOR1B	chr9:132565431-13257356:	18.753	19.9308	0.0878736	0.952469
XLOC_003183	FLJ37035	chr10:127371811-1274080:	0.101372	0.107745	0.0879638	1
XLOC_014607	TSPO	chr22:43547519-43559248	389.754	414.293	0.0880909	0.952469
XLOC_014694	PI4KA	chr22:21061978-21213100	13.3853	14.2288	0.0881584	0.95534
XLOC_000181	PNRC2	chr1:24286300-24289949	38.0665	40.4652	0.0881586	0.950929
XLOC_020594	STEAP1	chr7:89783688-89794141	9.77869	10.3951	0.0881847	0.960071
XLOC_020679	FAM185A	chr7:102389398-10244967:	1.86287	1.98031	0.0881996	0.972601
XLOC_008575	AKTIP	chr16:53468350-53537170	6.66895	7.08944	0.0882123	0.977103
XLOC_016641	NOP14	chr4:2937277-2965118	22.9926	24.4427	0.0882286	0.956618
XLOC_015362	MRAS	chr3:138066489-13812437:	1.4272	1.51728	0.0882974	0.970346
XLOC_012287	RMND5A	chr2:86730552-87005164	4.28691	4.55753	0.0883148	0.979733
XLOC_006154	MZT1	chr13:73282494-73301938	15.2705	16.2345	0.0883156	0.952371
XLOC_008651	AARS	chr16:70286296-70323412	40.8651	43.4449	0.0883169	0.959465
XLOC_012690	CAB39	chr2:231577556-23168579:	8.84702	9.40553	0.0883171	0.955406
XLOC_006046	LNK2	chr13:28120049-28194720	1.42211	1.51192	0.0883433	0.966946
XLOC_023342	KRBOX4	chrX:46306623-46334074	3.85415	4.09769	0.0883979	0.963266
XLOC_001992	TMCO1	chr1:165693527-16573815:	13.211	14.046	0.0884195	0.952711
XLOC_007167	GANC	chr15:42566365-42645864	0.500996	0.53267	0.0884419	0.978196
XLOC_014931	MTMR14	chr3:9691116-9744078	22.2637	23.6714	0.0884532	0.952371
XLOC_013557	XRN2	chr20:21283941-21370463	20.9101	22.2329	0.0884966	0.950929
XLOC_015326	C3orf37	chr3:128997683-12902413:	37.4219	39.7899	0.0885211	0.952905
XLOC_018120	HIST1H4I	chr6:27106071-27114637	1.06205	1.12935	0.0886404	0.992797
XLOC_015847	IMP2	chr3:100941389-10103941:	0.0209515	0.0222804	0.088722	1
XLOC_005789	DDX51	chr12:132621139-1326288:	8.52576	9.06739	0.0888593	0.954315
XLOC_007251	PLEKHO2	chr15:65134081-65160201	4.90349	5.21533	0.0889521	0.959465
XLOC_001654	EV15	chr1:92974252-93257961	1.54961	1.64825	0.0890356	0.959214
XLOC_013501	MRPS26	chr20:3026674-3028896	136.287	144.966	0.0890666	0.951344
XLOC_001178	WASH7P	chr1:11873-29370	9.99541	10.6319	0.0890667	0.96087
XLOC_007988	EEF2K	chr16:22217591-22300066	4.93356	5.24778	0.0890771	0.954559

XLOC_010497	SHD	chr19:4278597-4290720	0.443521	0.471778	0.0891057	0.986822
XLOC_001901	SSR2	chr1:155978838-155990758	327.983	348.881	0.089114	0.950972
XLOC_005633	NR2C1	chr12:95414004-95467404	5.03013	5.35065	0.0891178	0.960403
XLOC_015939	ISY1,ISY1-RAB43,RAB43	chr3:128806411-128880078	20.5761	21.8884	0.0891944	0.951902
XLOC_002498	C21orf35	chr10:71390002-71393355	24.7771	26.3588	0.0892819	0.957925
XLOC_001194	SDFA	chr1:1152287-1167447	87.5641	93.1542	0.0892824	0.950929
XLOC_014923	ARLBB	chr3:5163929-5222601	20.993	22.3333	0.0892922	0.950929
XLOC_022063	SLC10A5	chr8:82605890-82607207	1.16501	1.23941	0.0893147	0.979701
XLOC_007609	GTF2A2	chr15:59930260-59949737	27.2623	29.0035	0.0893221	0.950929
XLOC_015940	CNBP	chr3:128886657-128902818	118.996	126.598	0.0893319	0.954559
XLOC_009156	KAT7	chr17:47865980-47906458	9.02562	9.60248	0.0893817	0.953964
XLOC_012688	SP140L	chr2:231191893-231268448	3.89537	4.14435	0.089385	0.96103
XLOC_001065	BROX	chr1:222885905-222906106	1.03439	1.10064	0.0895578	0.979701
XLOC_008143	POLR2C	chr16:57496550-57520385	49.5448	52.7188	0.0895864	0.958814
XLOC_005395	PLEKHA8P1	chr12:45566816-45834187	2.06902	2.20167	0.0896465	0.992353
XLOC_012996	AUP1	chr2:74753774-74784678	179.134	190.619	0.0896528	0.962247
XLOC_008469	RNR3P3	chr16:22430866-22503541	0.947016	1.00775	0.0896772	0.979701
XLOC_002682	GSTO1	chr10:106013951-10602728	557.415	593.2	0.0897648	0.952371
XLOC_003574	RTN3	chr11:63448921-63527363	53.8647	57.3234	0.0897844	0.950929
XLOC_006805	NIN	chr14:51186480-51297839	3.33387	3.54799	0.0898056	0.955758
XLOC_016884	LEF1	chr4:108968700-109097588	7.00684	7.45744	0.0899153	0.956382
XLOC_021068	VOPP1	chr7:55538305-55640200	24.5832	26.1642	0.0899192	0.950929
XLOC_014872	MCAT	chr22:43528211-43539403	17.606	18.7383	0.0899267	0.954559
XLOC_005425	ARF3	chr12:49329991-49351252	44.6492	47.5227	0.0899846	0.950929
XLOC_002320	PITRM1-AS1	chr10:3179918-3215033	0.393673	0.419029	0.0900543	0.99451
XLOC_020812	ZYX	chr7:143078359-143220548	350.82	373.417	0.0900544	0.950929
XLOC_021305	IMPDH1	chr7:128032330-128050036	99.7505	106.18	0.0901168	0.950929
XLOC_012875	ATL2	chr2:38522028-38604432	11.1625	11.8826	0.090184	0.952905
XLOC_016181	SH3BP2	chr4:2794749-2842823	6.68557	7.11709	0.0902376	0.952469
XLOC_017149	IPO11,LRRC70	chr5:61708572-61924416	8.44089	8.98577	0.0902477	0.956382
XLOC_006903	GTFB3	chr14:76424441-76448092	1.73109	1.84303	0.0903943	0.970053
XLOC_009274	CDR2L	chr17:72983726-73001892	16.1953	17.2438	0.0905045	0.952344
XLOC_023973	SYTL4	chrX:99929488-99987135	0.855558	0.910968	0.0905346	0.972989
XLOC_014243	C21orf91	chr21:19149720-19191703	1.27178	1.35418	0.0905687	0.966946
XLOC_004401	UCP2	chr11:73685715-73693889	58.3119	62.0905	0.0905815	0.950929
XLOC_022952	PTCH1	chr9:98205263-98279247	1.64655	1.75329	0.0906185	0.96128
XLOC_014755	ZMAT5	chr22:30116343-30162969	33.3598	35.5234	0.0906579	0.956765
XLOC_020750	SMKR1	chr7:129142319-129152778	5.66746	6.03536	0.0907358	0.971854
XLOC_013569	ENTPD6	chr20:25176338-25207360	35.7782	38.1012	0.0907551	0.950929
XLOC_000567	GNAI3	chr1:110091185-110138454	15.0534	16.031	0.0907738	0.950684
XLOC_004806	PPHLN1	chr12:42719946-42842422	19.9755	21.2733	0.0908084	0.957782
XLOC_005521	CS	chr12:56665482-56694175	65.2041	69.4429	0.0908657	0.950929
XLOC_016732	NFXL1	chr4:47849257-47916633	3.42265	3.6452	0.0908826	0.958902
XLOC_006168	RBM26	chr13:79894099-79979923	6.21409	6.61839	0.0909369	0.953101
XLOC_002471	CDK1	chr10:62538088-62554610	39.6989	42.2824	0.0909581	0.948179
XLOC_021755	EFR3A	chr8:132916355-133025888	4.83631	5.15127	0.0910221	0.954677
XLOC_001888	FAM189B	chr1:155216995-155225274	56.4951	60.1776	0.0911023	0.950016
XLOC_017898	RBM22	chr5:150070351-150080668	21.4939	22.8951	0.0911102	0.948719
XLOC_001918	HDBG	chr1:156711898-156722248	171.226	182.39	0.0911223	0.950929
XLOC_012934	CCT4	chr2:62095261-62115806	100.904	107.486	0.0911591	0.950929
XLOC_008046	PPP4C	chr16:30087383-30096695	150.212	160.011	0.0911697	0.950929
XLOC_017357	ANKHD1,ANKHD1-EIF4EBF	chr5:139781398-139929168	30.9224	32.9412	0.091242	0.979701
XLOC_001734	LYPD5	chr19:44300078-44324808	0.426594	0.45446	0.0912873	0.980556
XLOC_002401	ZEB1	chr10:31608100-31818742	2.90115	3.09072	0.0913198	0.955683
XLOC_001973	B4GALT3	chr1:161141099-161147758	33.2596	35.4345	0.0913841	0.950684
XLOC_007854	HN1L	chr16:1728277-1752073	20.2096	21.5316	0.0914084	0.948088
XLOC_021556	TACC1	chr8:38585703-38710546	3.13098	3.3358	0.0914213	0.954768
XLOC_003058	NOC3L	chr10:96092988-96122683	7.77674	8.28555	0.0914326	0.953384
XLOC_012702	DIS3L2	chr2:232826292-233208678	4.2141	4.49004	0.0915042	0.959465
XLOC_016568	MSMO1	chr4:166248817-166264314	21.1153	22.4983	0.0915261	0.95035
XLOC_023533	NGFRAP1	chrX:102631267-102633007	94.9417	101.165	0.091601	0.950699
XLOC_009392	METTL16	chr17:2319347-2415200	4.33067	4.61495	0.0917239	0.954441
XLOC_011514	SMIM7	chr19:16756958-16770968	28.587	30.4643	0.0917596	0.950929
XLOC_009557	USP22	chr17:20902905-20946352	36.1009	38.4723	0.0917844	0.949303
XLOC_004884	HOXC4,HOXC5,HOXC6	chr12:54410641-54449814	11.1519	11.8852	0.0918872	0.963457
XLOC_007212	USP8	chr15:50716578-50838902	4.46486	4.75859	0.0919184	0.952358
XLOC_006385	MNAT1	chr14:61201458-61435398	21.8146	23.25	0.0919369	0.950929
XLOC_009740	RAB5C	chr17:40276993-40307062	77.5005	82.6031	0.0919886	0.947247
XLOC_021938	KIF13B	chr8:28924794-29120610	1.61791	1.72448	0.0920372	0.958814
XLOC_007906	ZNF213	chr16:3185056-3192805	8.71862	9.29331	0.0920923	0.958568
XLOC_000860	DCAF6	chr1:167885912-168045088	5.23765	5.58332	0.092202	0.979701
XLOC_004980	CPSF6	chr12:69633316-69668138	9.20997	9.81837	0.0922878	0.950684
XLOC_000217	TMEM222	chr1:27648635-27662891	36.3527	38.7547	0.0923109	0.950929
XLOC_007895	FLYWCH1	chr16:2961979-3001209	15.9319	16.9853	0.0923653	0.947966
XLOC_000285	MAP7D1	chr1:36621802-36646441	39.0282	41.6088	0.0923728	0.947008
XLOC_019123	FUCA2	chr6:143815948-143833020	45.7307	48.7552	0.092391	0.950929
XLOC_020563	RHBDD2	chr7:75508316-75518244	44.3177	47.2508	0.0924576	0.949303
XLOC_023534	TCEAL4	chrX:102840418-102842651	48.085	51.2677	0.0924632	0.947001
XLOC_015622	CMTM6	chr3:32522803-32544403	13.4736	14.3656	0.0924781	0.948354

XLOC_008658	FTSJD1	chr16:71316202-71323509	4.89524	5.21952	0.0925388	0.954315
XLOC_000768	LAMTOR2	chr1:156024516-156028301	90.6629	96.6729	0.0925991	0.950929
XLOC_017054	AHRR,PDCD6	chr5:271735-438405	83.0874	88.5985	0.092653	0.950684
XLOC_008119	MT1L	chr16:56651372-56652730	1237.34	1319.43	0.0926703	0.950929
XLOC_010703	C19orf60	chr19:18699494-18703147	57.4591	61.2716	0.0926823	0.95534
XLOC_008121	MT1M	chr16:56666533-56667898	212.694	226.827	0.0928128	0.950929
XLOC_000242	ZCCHC17	chr1:31769841-31837780	14.1478	15.0881	0.0928331	0.952371
XLOC_009147	CALCOCO2	chr17:46908349-46942607	12.6961	13.5402	0.0928554	0.951874
XLOC_016960	SH3D19	chr4:152041432-152149181	3.27574	3.49354	0.0928675	0.955406
XLOC_002312	ZMYND11	chr10:180404-300577	5.59092	5.96294	0.0929373	0.951888
XLOC_003136	BBIP1	chr10:112631552-11267911	9.14255	9.75124	0.0929889	0.980533
XLOC_016740	USP46	chr4:53457126-53525502	1.2018	1.28183	0.093004	0.957925
XLOC_017436	GALNT10	chr5:153570294-153825381	2.02838	2.16345	0.0930089	0.959465
XLOC_020708	MET	chr7:116312458-116438441	8.29234	8.84458	0.0930139	0.947247
XLOC_005170	TMED2	chr12:124069075-12408261	80.3417	85.6926	0.0930216	0.948088
XLOC_001726	AP4B1	chr1:114356432-114447741	6.37574	6.80042	0.0930299	0.95534
XLOC_001309	SDHB	chr1:17345224-17380665	119.273	127.221	0.093068	0.947008
XLOC_006490	C14orf159	chr14:91580356-91691703	6.92802	7.38984	0.0930988	0.956807
XLOC_000760	RUSC1	chr1:155278538-155300901	24.4648	26.0962	0.0931286	0.979733
XLOC_008063	FBXL19	chr16:30930639-30960104	10.3586	11.0508	0.0933163	0.954559
XLOC_008956	NSRP1	chr17:28443824-28513493	7.42319	7.91937	0.0933472	0.952739
XLOC_005778	UBC	chr12:125396191-12539951	536.147	571.984	0.0933472	0.953101
XLOC_004540	CADM1	chr11:115044344-11537521	6.1159	6.52483	0.0933766	0.950929
XLOC_000598	MOV10	chr1:113217047-113243361	31.9362	34.0717	0.0933832	0.948088
XLOC_008251	PLCG2	chr16:81812898-81991899	2.6319	2.8079	0.0933843	0.960763
XLOC_005675	PRDM4	chr12:108126642-10815491	10.2489	10.9343	0.0933924	0.945946
XLOC_001461	EPHA10	chr1:38181645-38230824	0.729084	0.777846	0.0933997	0.976214
XLOC_017465	WWC1	chr5:167719064-167899301	6.99964	7.4678	0.0934015	0.947008
XLOC_017675	SREK1IP1	chr5:63986134-64064496	3.42999	3.65973	0.0935294	0.950929
XLOC_006999	BRF1	chr14:105675622-10586441	15.3465	16.3746	0.0935511	0.984917
XLOC_004341	BRMS1	chr11:66104803-66112582	48.3145	51.5528	0.0935956	0.948179
XLOC_015300	MYLK-AS1	chr3:123304402-123603141	0.155292	0.165702	0.0936063	1
XLOC_015035	EIF1B	chr3:39851302-40353915	61.9985	66.1594	0.0937121	0.948179
XLOC_016896	C4orf12	chr4:113460488-113578741	0.588744	0.628268	0.093738	0.987334
XLOC_012310	CIAO1	chr2:96931883-96939900	20.1231	21.4743	0.0937582	0.945691
XLOC_001865	JTB	chr1:153931574-153950451	152.536	162.782	0.0937902	0.976618
XLOC_004636	NCAPD3	chr11:134022336-13409441	5.05251	5.39193	0.0938009	0.950929
XLOC_006531	YY1	chr14:100705101-10074481	16.4354	17.5409	0.0939161	0.950929
XLOC_012451	UBXN4	chr2:136499188-136542631	15.3817	16.4173	0.0940019	0.945946
XLOC_014155	SMIM11	chr21:35747748-35761452	17.3701	18.5405	0.0940778	0.957152
XLOC_023282	NHS	chrX:17393542-17754113	0.0207761	0.0221769	0.0941316	1
XLOC_015197	CHMP2B	chr3:87276412-87304698	16.8132	17.947	0.0941512	0.945946
XLOC_016363	UTP3	chr4:71554195-71556268	22.1785	23.6743	0.0941585	0.947247
XLOC_001595	SERBP1	chr1:67873492-67896123	39.0708	41.7105	0.0943215	0.947247
XLOC_016620	ATPS1	chr4:666224-668127	738.232	788.146	0.0943878	0.944601
XLOC_024111	RBM5	chrX:135951352-135962931	135.055	144.195	0.0944726	0.949303
XLOC_007363	FAM103A1	chr15:83654954-83680393	18.2494	19.487	0.0946638	0.959465
XLOC_010017	EIF4A3	chr17:78109012-78120982	74.3834	79.4319	0.0947384	0.946257
XLOC_023064	STRBP	chr9:125883907-126030851	9.09406	9.71133	0.0947442	0.942519
XLOC_001511	HECTD3	chr1:45468219-45477027	10.1204	10.8077	0.0948058	0.950929
XLOC_017183	TNPO1	chr5:72112417-72210215	9.4838	10.1281	0.0948234	0.943067
XLOC_009877	TRIM37	chr17:56833229-57184266	4.24456	4.5334	0.0949775	0.953101
XLOC_006848	PPP2R5E	chr14:63841354-64010079	3.97671	4.24753	0.0950507	0.955799
XLOC_023365	FTSJ1	chrX:48334548-48344752	29.9808	32.0233	0.0950831	0.943036
XLOC_007886	PDPK1	chr16:2587964-2653191	2.601	2.77821	0.0950922	0.95534
XLOC_010157	TAF4B	chr18:23806408-23971650	1.72547	1.84304	0.0950966	0.960165
XLOC_004275	WDR74	chr11:62600382-62607628	61.4578	65.6569	0.095351	0.945783
XLOC_012676	MRPL44	chr2:224822120-224832431	26.5825	28.3995	0.0953899	0.948088
XLOC_020444	ANLN	chr7:36363758-36493400	9.54837	10.2016	0.0954629	0.946765
XLOC_003180	CTBP2	chr10:126676417-12684961	14.0859	15.0496	0.0954686	0.945247
XLOC_011245	A1BG-AS1	chr19:58858171-58874214	0.190586	0.203637	0.0955519	1
XLOC_020655	GNB2	chr7:100271362-100276791	453.051	484.085	0.0955874	0.944538
XLOC_014116	GABPA	chr21:27096790-27144771	2.72645	2.91326	0.0956098	0.987244
XLOC_017677	CENPK	chr5:64813592-64858995	2.69563	2.88045	0.0956703	0.966946
XLOC_013475	ZCCHC3	chr20:278203-280963	14.4007	15.3883	0.0956886	0.950684
XLOC_004753	DERA	chr12:16064185-16190315	15.838	16.9243	0.0957049	0.950929
XLOC_007725	MTHFS,ST20,ST20-MTHFS	chr15:80135888-80217196	16.6363	17.7774	0.0957139	0.977103
XLOC_001819	MRPL9	chr1:151732122-151743801	65.7322	70.2411	0.0957156	0.944601
XLOC_009372	CRK	chr17:1324646-1359561	7.83813	8.37582	0.0957209	0.950929
XLOC_000072	NMNAT1	chr1:10003485-10045556	2.11332	2.25831	0.0957362	0.959465
XLOC_005697	VPS29	chr12:110929329-11093991	49.8603	53.2843	0.0958189	0.942878
XLOC_005792	POLE	chr12:133200347-13326391	6.19771	6.62353	0.0958657	0.944314
XLOC_009899	LIMD2	chr17:61699800-61777519	8.10479	8.66286	0.0960687	0.966946
XLOC_010917	ZNF234	chr19:44645709-44664462	0.942814	1.00791	0.0963213	0.966946
XLOC_014252	ATP5J	chr21:27096790-27144771	164.443	175.808	0.0964067	0.954162
XLOC_000298	MACF1	chr1:39547088-39952810	4.22525	4.51733	0.0964319	0.943606
XLOC_011274	CIRBP-AS1	chr19:1267469-1274809	1.10699	1.18358	0.096511	0.99351
XLOC_002265	HEATR1	chr1:236681513-236767841	5.56962	5.95522	0.0965753	0.967901
XLOC_017811	PPP2CA	chr5:133532147-133561951	47.498	50.7902	0.0966826	0.941621

XLOC_013767	OGFR	chr20:61436176-61445352	36.2584	38.7744	0.09679	0.942472
XLOC_017415	GRPEL2	chr5:148724976-148734146	9.6868	10.3591	0.0968118	0.950929
XLOC_003074	EXOSC1	chr10:99195665-99205768	26.418	28.2525	0.0968554	0.950684
XLOC_001687	CLCC1	chr1:109419602-109506111	5.79526	6.1978	0.0968839	0.952905
XLOC_021228	CLDN15	chr7:100875372-100882101	11.2013	11.9794	0.0968998	0.959465
XLOC_003982	OSBPL5	chr11:3108345-3186582	4.72853	5.05752	0.0970385	0.956807
XLOC_004861	KRT18	chr12:53290970-53346685	227.142	242.954	0.0970865	0.950929
XLOC_006713	PSMB5	chr14:23495059-23504429	235.401	251.791	0.0971031	0.942519
XLOC_020864	AGAP3	chr7:150783825-150841523	39.3907	42.1355	0.0971809	0.948176
XLOC_015983	GK5	chr3:141876368-141944445	0.632291	0.676353	0.0971882	0.961224
XLOC_004534	TMPRSS5	chr11:113558267-11357706	0.386255	0.413172	0.0971886	0.984772
XLOC_004718	LOC374443	chr12:9769879-9811010	1.18503	1.26764	0.0972249	0.974044
XLOC_014703	MAPK1	chr22:22113946-22221970	10.0239	10.7228	0.0972326	0.961432
XLOC_007397	ZNF710	chr15:90544751-90625432	7.10366	7.59957	0.0973565	0.950929
XLOC_000278	NCDN	chr1:36023392-36032380	10.149	10.8579	0.0974047	0.950929
XLOC_002009	SLC19A2	chr1:169433148-169455208	8.23879	8.81425	0.0974066	0.947008
XLOC_013479	RBCK1	chr20:388708-411610	37.5185	40.1398	0.097434	0.946765
XLOC_024034	NKRF	chrX:118722299-11873984	4.62455	4.94771	0.0974486	0.950684
XLOC_011482	LPHN1	chr19:14247963-14316997	11.8211	12.6492	0.0976804	0.942472
XLOC_011221	ZNF547	chr19:57874878-57890925	10.2837	11.0042	0.0976845	0.965573
XLOC_010036	NPLOC4	chr17:79523912-79604138	20.1345	21.5452	0.0976958	0.942472
XLOC_012578	SPATS2L	chr2:201170603-201346988	8.27636	8.85697	0.0978164	0.945946
XLOC_003965	CTSD	chr11:1490684-1785501	167.916	179.719	0.0980036	0.951788
XLOC_013224	FASKTD1	chr2:170386262-170430424	9.09637	9.736	0.098038	0.945946
XLOC_001592	WDR78	chr1:67278571-67390570	0.118134	0.126447	0.098112	1
XLOC_008524	ZNF689	chr16:30613878-30622096	3.90265	4.17738	0.0981453	0.95752
XLOC_006918	CEP128	chr14:80962820-81405884	0.384661	0.41174	0.0981457	0.976077
XLOC_020434	AVL9	chr7:32535175-32758780	4.13229	4.42329	0.0981793	0.960071
XLOC_014483	SRRD	chr22:26879849-26908437	16.1246	17.2609	0.0982504	0.973723
XLOC_009182	PCTP	chr17:53828339-53854748	9.10934	9.75138	0.0982604	0.952725
XLOC_006147	DIAPH3	chr13:60239720-60738119	5.50515	5.89317	0.0982621	0.948088
XLOC_021399	TMUB1	chr7:150778171-150780620	153.266	164.085	0.0984037	0.942472
XLOC_003561	METTL12	chr11:62430288-62441162	5.39083	5.77139	0.0984118	0.991767
XLOC_018736	TRIM26	chr6:30152231-30181271	15.7333	16.844	0.0984169	0.942827
XLOC_002832	FAM188A	chr10:15820174-15902519	10.9904	11.7684	0.0986649	0.946257
XLOC_015612	TOP2B	chr3:25469753-25705863	13.4594	14.4121	0.0986664	0.938194
XLOC_001814	PI4KB	chr1:151254790-151300191	19.7734	21.1733	0.0986862	0.960591
XLOC_004177	MTCH2	chr11:47638857-47664206	39.9877	42.8189	0.0986905	0.938843
XLOC_014452	BCR	chr22:23522551-23660224	9.08161	9.72487	0.0987321	0.944601
XLOC_002692	PDCD4	chr10:112631552-11267912	15.3102	16.3948	0.0987481	0.954677
XLOC_015381	U2SURP	chr3:142720371-142779567	8.00313	8.57046	0.09881	0.940075
XLOC_014748	RHBD3	chr22:29655843-29663914	19.875	21.2849	0.0988722	0.950929
XLOC_021937	INTS9	chr8:28625174-28747698	11.1137	11.9021	0.0988771	0.945798
XLOC_021507	KIAA1967	chr8:22462144-22526661	37.0334	39.6609	0.09889	0.951888
XLOC_005338	EPS8	chr12:15773074-15942510	2.42712	2.59942	0.0989459	0.955709
XLOC_018741	DHX16	chr6:30614815-30640830	17.1455	18.3636	0.0990181	0.958814
XLOC_012330	EIF5B	chr2:99953833-100016728	13.6923	14.6651	0.0990209	0.940338
XLOC_001230	LRRC47	chr1:3696783-3713068	30.2783	32.4304	0.0990631	0.936493
XLOC_022881	TMEM2	chr9:74298281-74383800	0.552867	0.592195	0.0991417	0.967901
XLOC_010676	DDA1	chr19:17420336-17445638	11.1139	11.9046	0.0991551	0.950929
XLOC_012030	LOC100506054	chr2:3605975-3609340	5.72462	6.1321	0.0992012	0.965607
XLOC_012164	PRKCE	chr2:45879042-46415129	1.23238	1.32017	0.099274	0.961224
XLOC_001546	KTI12,TXNDC12	chr1:52485803-52521843	61.4234	65.8071	0.099455	0.948088
XLOC_002218	ITPKB	chr1:226819390-226926878	1.96826	2.10876	0.0994716	0.955799
XLOC_017786	MARCKB	chr5:126203405-126366440	0.371763	0.398309	0.099506	0.978188
XLOC_006450	DLST	chr14:75348593-75370450	44.2561	47.4163	0.0995079	0.938194
XLOC_003980	SNORA54	chr11:2965659-3013607	17.7276	18.994	0.0995434	0.990857
XLOC_023671	HMGB3	chrX:150151762-150159241	12.1564	13.0248	0.099553	0.935939
XLOC_015593	METTL6	chr3:15451376-15469042	4.61744	4.94736	0.0995645	0.95534
XLOC_013388	FARSB	chr2:223436161-223520827	25.6364	27.4689	0.0996055	0.93616
XLOC_013857	MKKS	chr20:10385427-10414887	13.5156	14.4817	0.0996097	0.948514
XLOC_012587	CASP8	chr2:202098165-202152434	5.44322	5.83239	0.0996257	0.951659
XLOC_004174	CELF1	chr11:47487488-47574792	18.8361	20.183	0.0996375	0.942747
XLOC_009861	MRPS23	chr17:55916296-55927433	35.3889	37.9208	0.0996911	0.939647
XLOC_005696	GPN3	chr12:110890290-110928181	21.9306	23.4997	0.099695	0.966045
XLOC_008939	SUPT6H	chr17:26989301-27029249	15.4629	16.5698	0.0997518	0.937765
XLOC_016959	LRBA	chr4:151185810-151936645	4.0726	4.36417	0.0997571	0.939091
XLOC_013530	BTBD3	chr20:11871476-11907243	2.20335	2.36111	0.0997697	0.955758
XLOC_012470	RIF1	chr2:152266396-152333860	1.81154	1.94126	0.0997737	0.94657
XLOC_007524	RPAP1	chr15:41809374-41836464	7.67833	8.22855	0.0998448	0.948179
XLOC_009179	TOM1L1	chr17:52978051-53046064	7.06174	7.56803	0.0998956	0.979701
XLOC_005689	FAM222A-AS1	chr12:110152186-110211125	3.24273	3.47525	0.0999084	0.979701
XLOC_022202	TSNARE1	chr8:143293440-143484543	5.19419	5.56676	0.0999409	0.963669
XLOC_008476	PALB2	chr16:23614482-23652678	3.04595	3.26446	0.0999497	0.950929
XLOC_022426	CKS2	chr9:91926112-91931618	446.343	478.367	0.0999653	0.937813
XLOC_000589	ATP5F1	chr1:111982511-112004525	82.7442	88.6811	0.0999694	0.952216
XLOC_013486	SIRPA	chr20:1874812-1920540	4.60753	4.93818	0.0999858	0.950929
XLOC_008827	MPDU1	chr17:7486964-7493488	55.3028	59.2733	0.10003	0.942207
XLOC_002249	PCNXL2	chr1:233119881-233431455	1.13264	1.21398	0.10006	0.959465

XLOC_018890	XPO5	chr6:43490067-43543812	17.3861	18.6354	0.100112	0.936493
XLOC_015533	FBXO45	chr3:196295724-196315930	3.66827	3.93196	0.10015	0.945946
XLOC_023887	FGD1	chrX:54471886-54522599	10.6185	11.3819	0.100156	0.947247
XLOC_002547	TSPAN14	chr10:82214037-82282391	4.82178	5.16851	0.100182	0.947716
XLOC_005985	ABHD13	chr13:108870762-10888660	1.76882	1.89606	0.100218	0.954559
XLOC_015540	DLG1-AS1	chr3:196769430-197030627	0.158453	0.169853	0.100232	1
XLOC_016989	TMEM192	chr4:165997229-166034024	3.09691	3.31979	0.100262	0.950929
XLOC_015441	SEC62	chr3:169684579-169716167	8.62215	9.24274	0.100272	0.936621
XLOC_008991	FNDC8	chr17:33448630-33457751	1.18169	1.26675	0.100281	0.97749
XLOC_020519	ASL	chr7:65540775-65558329	38.4154	41.1808	0.100288	0.943036
XLOC_002924	ARHGAP22	chr10:49654067-49864310	32.1704	34.4871	0.100322	0.942519
XLOC_021664	RIPK2	chr8:90769974-90803292	38.7138	41.5028	0.100358	0.940338
XLOC_008137	RSPRY1	chr16:57220240-57272947	2.22469	2.38496	0.100362	0.96571
XLOC_007453	NIPA1	chr15:23043278-23086843	5.20775	5.583	0.100382	0.942472
XLOC_002345	SEC61A2	chr10:12171639-12292589	7.64569	8.1967	0.100398	0.991767
XLOC_010056	CCDC57	chr17:80059345-80170689	3.91678	4.19926	0.100467	0.956807
XLOC_016782	GRSF1	chr4:71681498-71705627	23.1213	24.7894	0.100504	0.938194
XLOC_003419	EXT2	chr11:44117098-44266980	21.5025	23.0539	0.100507	0.936139
XLOC_000869	C1orf112	chr1:169764549-169863100	3.05723	3.27789	0.10054	0.960403
XLOC_010619	RAD23A	chr19:13056627-13064457	127.874	137.104	0.100545	0.937399
XLOC_020666	AP1S1	chr7:100797685-100804557	162.576	174.33	0.100706	0.939056
XLOC_016813	ANTXR2	chr4:80822770-80994477	10.5434	11.3057	0.100712	0.937235
XLOC_006942	ITPK1	chr14:93403258-93582263	31.767	34.0643	0.100732	0.937399
XLOC_023847	OTUD5	chrX:48779302-48815648	22.7187	24.3627	0.100796	0.938194
XLOC_020626	ARPC1A	chr7:98923495-98963885	122.765	131.65	0.100807	0.936288
XLOC_022668	TMEM141	chr9:139685776-139687768	152.167	163.186	0.100859	0.936621
XLOC_005700	PPP1CC	chr12:111157612-11118078	96.7227	103.73	0.100904	0.942519
XLOC_023344	CTCF7	chrX:46433191-46457838	1.2305	1.3197	0.100964	0.978981
XLOC_006442	COQ6	chr14:74399694-74429813	17.7231	19.0086	0.101016	0.948088
XLOC_004306	MAP4K2	chr11:64556608-64570713	16.2511	17.4302	0.101047	0.942472
XLOC_013444	HDAC4	chr2:239969863-240322643	0.463207	0.496824	0.101079	0.971133
XLOC_012247	DGUOK	chr2:74153952-74186088	56.5549	60.6607	0.101111	0.939091
XLOC_017854	SRA1	chr5:139929651-139937678	31.3045	33.5782	0.101158	0.942967
XLOC_023115	C9orf78	chr9:132589563-132597572	61.2292	65.6772	0.101171	0.936621
XLOC_005151	SETD1B	chr12:122242637-12227056	2.4182	2.5939	0.10119	0.952469
XLOC_014451	RAB36	chr22:23487512-23506531	2.64132	2.83336	0.101254	0.957925
XLOC_015993	PLSCR1	chr3:146232966-146262628	5.81455	6.23749	0.101297	0.950929
XLOC_003621	PCNXL3	chr11:65383782-65404910	7.41364	7.95298	0.101314	0.942624
XLOC_017725	TMEM167A	chr5:82348664-82373272	7.64968	8.20625	0.101323	0.935939
XLOC_006123	RC3TB1	chr13:50106081-50159719	4.46724	4.79238	0.101359	0.945946
XLOC_018242	KIFC1	chr6:33359312-33377699	33.8529	36.317	0.101365	0.937399
XLOC_012029	TRAPPC12	chr2:3383445-3483342	17.2014	18.4543	0.10143	0.943036
XLOC_012547	NUP35	chr2:183989082-184026408	6.56397	7.04209	0.101436	0.954559
XLOC_015361	ARMC8	chr3:137906114-138048728	3.4921	3.74648	0.101438	0.951888
XLOC_010346	ATP5A1	chr18:43664109-43684199	268.773	288.36	0.101484	0.936621
XLOC_008033	QPRT	chr16:29690440-29709314	0.086155	0.0924348	0.101502	1
XLOC_002524	ADK	chr10:75910942-76469061	16.8719	18.1021	0.101529	0.940338
XLOC_022315	NFX1	chr9:33290417-33371155	6.48286	6.95558	0.101542	0.942747
XLOC_020443	EEPD1	chr7:36192835-36341152	1.65474	1.77544	0.101576	0.961026
XLOC_010707	UPF1	chr19:18942743-18979039	20.5443	22.0434	0.101607	0.936493
XLOC_020629	CPSF4	chr7:99006600-99063824	64.7523	69.4799	0.101665	0.984053
XLOC_001596	GNGL2	chr1:68167148-68698284	20.9284	22.4575	0.101739	0.976337
XLOC_010683	MAP1S	chr19:17830302-17845324	21.5975	23.1757	0.101748	0.941329
XLOC_011841	NOSIP	chr19:50058724-50083829	73.3512	78.7172	0.101859	0.935939
XLOC_016914	NDNF	chr4:121956781-121993673	0.0271668	0.0291553	0.101914	1
XLOC_001653	GF1I	chr1:92940317-92952433	1.61523	1.73349	0.101941	0.970195
XLOC_002672	AS3MT,C10orf32	chr10:104613966-10466168	4.73531	5.08242	0.102057	0.95534
XLOC_000564	ATXN7L2	chr1:110026560-110035420	8.15715	8.75511	0.102061	0.952905
XLOC_013009	SUCLG1	chr2:84650646-84686586	48.4096	51.9601	0.10211	0.934345
XLOC_008500	CDIPT	chr16:29869677-29874578	53.8384	57.7908	0.102204	0.938194
XLOC_014540	KCTD17	chr22:37447778-37459430	22.222	23.8536	0.102223	0.945783
XLOC_007194	SPATA5L1	chr15:45694518-45713616	9.99292	10.7269	0.102248	0.949303
XLOC_016049	PDCD10	chr3:167401694-167452657	32.0808	34.439	0.102332	0.935939
XLOC_021732	ZHX2	chr8:123793900-123986758	2.14338	2.30098	0.102358	0.956807
XLOC_020469	YKT6	chr7:44240577-44253893	32.8007	35.2126	0.102367	0.933258
XLOC_003415	SEC14L1P1	chr11:43902356-43942494	0.311682	0.334603	0.102376	1
XLOC_009971	RECQL5	chr17:73584138-73663269	6.18633	6.64144	0.102412	0.952469
XLOC_021961	LSM1	chr8:38020838-38070819	36.8872	39.6012	0.102425	0.955709
XLOC_006749	STXBP6	chr14:25281305-25519095	0.506562	0.543884	0.102561	0.979701
XLOC_004890	COPZ1	chr12:54718873-54745635	93.6917	100.595	0.102568	0.939371
XLOC_015299	SEC22A	chr3:122920773-122992982	4.37402	4.69652	0.102634	0.949812
XLOC_006820	GCH1	chr14:55308723-55369542	6.30764	6.77275	0.102643	0.954677
XLOC_004426	INTS4	chr11:77589765-77705717	7.15564	7.68343	0.10267	0.942519
XLOC_013581	PSIMCT-1	chr20:30102240-30161066	1.09775	1.17876	0.102712	0.996014
XLOC_011269	R3HDM4	chr19:896502-913225	81.9838	88.0366	0.102765	0.931473
XLOC_004682	LEPREL2	chr12:6937571-6949018	22.628	24.2994	0.102807	0.937255
XLOC_000258	HDAC1	chr1:32757707-32799224	65.998	70.8745	0.102844	0.936584
XLOC_018975	PGM3	chr6:83777384-83906256	4.8022	5.15717	0.102884	0.953837
XLOC_008904	PRPSAP2	chr17:18759611-18834599	20.1806	21.6728	0.102914	0.937363

XLOC_001766	GNRHR2	chr1:145507556-145516071	4.80961	5.16528	0.102924	0.981044
XLOC_002347	CAMK1D	chr10:12391582-12871733	3.69128	3.96425	0.102926	0.962439
XLOC_008312	NPRL3	chr16:127017-188697	41.1854	44.2324	0.102972	0.974044
XLOC_021487	SH2D4A	chr8:19171080-19253729	3.41988	3.67316	0.103075	0.952919
XLOC_017306	CDC42SE2	chr5:130599701-130730382	5.95161	6.39245	0.103089	0.945946
XLOC_009009	AATF	chr17:35306174-35414171	47.1474	50.6397	0.103093	0.936316
XLOC_023264	TMSB4X	chrX:12993225-12995346	337.836	362.864	0.103103	0.940075
XLOC_017887	SH3TC2	chr5:148361712-148442731	0.0797499	0.0856599	0.103137	1
XLOC_010210	WDR7	chr18:54318615-54697036	0.607505	0.652544	0.103178	0.963266
XLOC_007986	C16orf52	chr16:22019455-22095972	1.08103	1.1612	0.10321	0.962439
XLOC_012629	ATIC	chr2:216176678-216214496	62.8244	67.4838	0.103215	0.936252
XLOC_008317	TMEM8A	chr16:420775-431950	33.047	35.498	0.103219	0.934181
XLOC_006960	CLMN	chr14:95648275-95786245	1.28009	1.37504	0.103222	0.947247
XLOC_005932	PIBF1	chr13:73302041-73590591	1.49775	1.60884	0.103224	0.990324
XLOC_001739	CD58	chr1:117057155-117111371	7.72618	8.30005	0.103366	0.956382
XLOC_001196	UBE2J2	chr1:1189291-1209234	31.2905	33.6155	0.103405	0.937403
XLOC_015923	SLC41A3	chr3:125725199-125820391	18.9469	20.355	0.103421	0.942519
XLOC_009575	KIAA0100	chr17:26926150-269972177	14.998	16.1128	0.103439	0.936637
XLOC_015044	SS18L2	chr3:42589458-42690233	19.5432	20.9968	0.103502	0.973562
XLOC_023781	SH3KBP1	chrX:19552082-19905744	5.55549	5.96893	0.103557	0.942878
XLOC_003363	NAV2	chr11:19372270-20143147	5.29382	5.68831	0.10369	0.945946
XLOC_004074	EIF4G2	chr11:10818592-10830582	99.6687	107.105	0.103815	0.935939
XLOC_021115	WBSCR16	chr7:74456282-74489699	33.1484	35.6219	0.103824	0.935939
XLOC_010589	SMARCA4	chr19:11071597-11172958	32.2952	34.7067	0.103895	0.933417
XLOC_017167	MARVELD2	chr5:68710938-68737890	0.461356	0.49588	0.104111	0.978703
XLOC_021158	PEX1	chr7:92116336-92157845	4.17183	4.48412	0.104142	0.944284
XLOC_023086	AKP1	chr9:130628758-130640022	52.3783	56.3008	0.104186	0.933625
XLOC_010006	USP36	chr17:76792964-76836969	8.29515	8.91676	0.104251	0.933936
XLOC_017735	CETN3	chr5:89689528-89705603	19.3771	20.8292	0.104254	0.942519
XLOC_013548	DTD1	chr20:18568555-18744560	59.7267	64.2076	0.104368	0.931471
XLOC_001072	CNIH4	chr1:224544594-224563695	136.603	146.853	0.10438	0.932468
XLOC_011627	ZNF850	chr19:37234379-37263716	1.49986	1.6125	0.104474	0.949929
XLOC_008455	THUMPDP1	chr16:20744988-20753199	3.98458	4.28404	0.104547	0.942827
XLOC_000687	MLLT11	chr1:151032150-151040973	0.566727	0.609328	0.104566	0.977332
XLOC_007989	POLR3E	chr16:22308695-22346424	9.21534	9.90878	0.104669	0.939662
XLOC_004781	ARNTL2	chr12:27485786-27578746	3.11488	3.34939	0.104722	0.938194
XLOC_000744	CKS1B	chr1:154947117-154951725	175.121	188.308	0.104741	0.933952
XLOC_001074	DNAH14	chr1:225117355-225586996	5.08454	5.46764	0.1048	0.964871
XLOC_015123	MANF	chr3:51422691-51426828	90.4543	97.2744	0.104871	0.931471
XLOC_016449	CISD2	chr4:103790134-103940896	6.82553	7.34043	0.104923	0.932202
XLOC_015228	TFG	chr3:100428133-100467811	57.3943	61.7253	0.104953	0.933811
XLOC_021218	TFR2	chr7:100218038-100239173	17.0547	18.3421	0.104989	0.937542
XLOC_017488	BNIP1	chr5:172571444-172591390	15.1079	16.2486	0.105013	0.946765
XLOC_020661	SRRT	chr7:100472700-100486288	42.3748	45.5751	0.10504	0.931471
XLOC_014412	COMT	chr22:19863039-20004309	45.2813	48.7018	0.105059	0.96103
XLOC_005626	EEA1	chr12:93166284-93323107	0.94535	1.01681	0.105131	0.95534
XLOC_022696	MRPL41	chr9:140446308-140447007	550.263	591.866	0.105148	0.931506
XLOC_016161	PIGG	chr4:419223-533320	5.6134	6.03784	0.105156	0.965148
XLOC_014024	TMEM189, TMEM189-UBE2A	chr20:48697660-48770335	78.5765	84.5185	0.105169	0.933023
XLOC_013585	TPX2	chr20:30326903-30389603	29.4817	31.7114	0.105179	0.933023
XLOC_007533	TMEM87A	chr15:42502725-42565755	10.3267	11.1086	0.105288	0.934181
XLOC_017136	SKIVL2	chr5:54603575-54830873	11.5538	12.4286	0.1053	0.942827
XLOC_012827	ASXL2	chr2:25962252-26101312	0.482144	0.518651	0.1053	0.965573
XLOC_011962	TMEM86B	chr19:55738001-55740632	2.03934	2.19376	0.105308	0.974044
XLOC_004976	RAP1B	chr12:69004618-69054385	76.7554	82.5739	0.105417	0.931471
XLOC_003805	FDX1	chr11:110300660-11033560	7.62312	8.20137	0.105483	0.940338
XLOC_016636	HAUS3, POLN	chr4:2073644-2243860	1.83745	1.97685	0.105498	0.950929
XLOC_014647	NCAPH2	chr22:50946644-50968514	21.3385	22.9576	0.105514	0.967901
XLOC_006459	IFT43	chr14:76452095-76550416	30.0505	32.3307	0.105517	0.945783
XLOC_009640	ACACA	chr17:35441926-35766902	4.01232	4.3168	0.105528	0.933023
XLOC_016289	N4BP2	chr4:40044536-40159872	0.335774	0.361264	0.105565	0.96513
XLOC_005758	VPS33A	chr12:122716093-12275106	7.43888	8.00368	0.105578	0.942519
XLOC_013517	CDS2	chr20:5107406-5178533	4.89712	5.26897	0.105585	0.931471
XLOC_010393	KDSR	chr18:60994970-61034506	20.6826	22.2532	0.105596	0.931471
XLOC_009515	CDRT4, TVP23C, TVP23C-Cl	chr17:15339331-15466945	8.37169	9.00781	0.105658	0.950929
XLOC_010750	DPY19L3	chr19:32896654-32976799	2.07529	2.233	0.10567	0.947008
XLOC_009090	NBR2	chr17:41277599-41297125	1.83282	1.97211	0.105675	0.975511
XLOC_012638	ARPC2	chr2:219081873-219119071	203.195	218.64	0.105693	0.931355
XLOC_020937	ETV1	chr7:13930855-14031050	0.631255	0.679238	0.105695	0.960698
XLOC_010553	RAB11B	chr19:8439259-8469317	91.9266	98.9149	0.105706	0.930066
XLOC_010912	ZNF222	chr19:44529493-44537262	3.22643	3.47189	0.105782	0.959465
XLOC_009529	RASD1	chr17:17397752-17399709	0.20238	0.217783	0.105824	1
XLOC_003215	RIC8A	chr11:208529-236362	64.6593	69.5807	0.105831	0.947247
XLOC_021947	GSR	chr8:30535579-30585486	21.9264	23.5955	0.105848	0.934345
XLOC_010659	TPM4	chr19:16178316-16213813	240.572	258.909	0.105976	0.935917
XLOC_022784	SMU1	chr9:33041849-33076714	9.57848	10.3089	0.106019	0.930066
XLOC_003406	PRR5L	chr11:36317724-36486754	1.30829	1.40809	0.106056	0.96128
XLOC_024182	NAA10	chrX:153195279-153200607	133.325	143.497	0.106073	0.930488
XLOC_008473	GGA2	chr16:23474862-23521815	9.26627	9.9733	0.106082	0.932468

XLOC_006278	LRP10	chr14:23340959-23347291	41.16	44.3027	0.106152	0.931471
XLOC_011158	PRPF31	chr19:54610319-54635150	45.7575	49.2512	0.106152	0.935836
XLOC_001593	SLC35D1	chr1:67465014-67520080	1.1094	1.19416	0.106213	0.955758
XLOC_002778	MTG1	chr10:135207620-13523811	27.6198	29.7301	0.106221	0.943861
XLOC_001786	HIST2H2BF	chr1:149754244-149783921	1.28967	1.38824	0.106259	0.987693
XLOC_006916	SNW1	chr14:78183943-78236085	32.0484	34.4999	0.106339	0.927627
XLOC_005448	SLC11A2	chr12:51373565-51422058	7.07028	7.61125	0.106366	0.944284
XLOC_007126	EMC4	chr15:34517244-34630265	92.0616	99.1127	0.106471	0.935836
XLOC_012128	YIPF4	chr2:32502957-32531658	16.0616	17.2934	0.106605	0.935939
XLOC_006498	TMEM251	chr14:93651295-93653431	25.0533	26.9748	0.106614	0.940999
XLOC_001924	ETV3	chr1:157094458-157108383	0.494265	0.532188	0.106652	0.979701
XLOC_012200	B3GNT2	chr2:62423261-62451866	4.13831	4.45588	0.106672	0.949812
XLOC_015789	PDHB	chr3:58413356-58419579	29.0094	31.2418	0.106696	0.932231
XLOC_010695	MPV17L2	chr19:18304039-18307550	14.4284	15.5388	0.106965	0.947247
XLOC_009271	TMEM104	chr17:72772621-72835922	1.97782	2.1301	0.107014	0.959465
XLOC_021395	KCNH2	chr7:150642043-150675402	20.02	21.5616	0.107021	0.934345
XLOC_018812	TAPBP_ZBTB22	chr6:33267471-33285719	32.7324	35.2535	0.107048	0.932901
XLOC_000422	NFIA	chr1:61542945-61928460	1.03987	1.11999	0.107086	0.952469
XLOC_007598	NEDD4	chr15:56119121-56285835	1.8304	1.97154	0.107162	0.946765
XLOC_010147	RIOK3	chr18:21032786-21063099	10.0589	10.8349	0.107215	0.930488
XLOC_005957	GPR180	chr13:95254103-95286899	1.67685	1.80639	0.107349	0.943036
XLOC_008653	ST3GAL2	chr16:70413337-70472991	3.62997	3.91046	0.10738	0.950929
XLOC_009810	CBX1	chr17:46147413-46178883	52.9815	57.0761	0.107399	0.930066
XLOC_019157	DYNLT1	chr6:159057506-159065804	83.9635	90.4538	0.107419	0.930488
XLOC_009748	FAM134C	chr17:40731525-40767256	17.159	18.4854	0.107421	0.959465
XLOC_001481	MYCL1	chr1:40361095-40367687	3.47492	3.74354	0.107422	0.955709
XLOC_023986	BEX5	chrX:101408678-101410981	14.4637	15.5819	0.10743	0.950929
XLOC_009983	SRP68	chr17:74034855-74068607	40.745	43.9009	0.107628	0.932468
XLOC_000344	CCDC24	chr1:44457279-44497164	7.20836	7.76718	0.107721	0.988154
XLOC_020901	PSMG3	chr7:1606969-1609668	60.7516	65.4625	0.107747	0.932202
XLOC_013179	NMI	chr2:152126981-152146431	9.21134	9.92573	0.107761	0.946765
XLOC_011795	KPTN	chr19:47978399-47987521	3.93451	4.23975	0.107798	0.961224
XLOC_017360	IK	chr5:140027383-140042061	19.5661	21.0851	0.107862	0.929536
XLOC_008205	WVWP2	chr16:69796186-69975644	11.1132	11.9761	0.107884	0.935296
XLOC_023976	TRMT2B	chrX:100264333-100307101	2.80504	3.02288	0.107904	0.953384
XLOC_021290	NDUFA5	chr7:123181082-123197951	32.3272	34.8389	0.107953	0.930066
XLOC_011270	TMEM259	chr19:1000436-1021141	73.5737	79.2904	0.107956	0.929635
XLOC_006979	MOK	chr14:102690833-10277151	6.87577	7.41011	0.107973	0.958814
XLOC_017949	FBXW11	chr5:171288555-171433871	7.94253	8.55978	0.107975	0.931471
XLOC_012533	MTX2	chr2:177134122-177202751	35.8937	38.6844	0.108019	0.931473
XLOC_001017	CD55	chr1:207494816-207534311	18.1988	19.6139	0.108033	0.931471
XLOC_009796	KANSL1	chr17:44107281-44302740	6.16287	6.64213	0.108043	0.931471
XLOC_021873	FAM86B1	chr8:12039612-12051624	3.57636	3.85449	0.108048	0.958201
XLOC_009279	NUP85	chr17:73201596-73231854	24.3705	26.2658	0.10805	0.930157
XLOC_010452	MUM1	chr19:1354975-1378430	8.52952	9.19306	0.10808	0.935939
XLOC_008787	USP6	chr17:5031686-5078324	0.18207	0.196237	0.108103	1
XLOC_017588	MYO10	chr5:16662015-16936385	6.29812	6.78874	0.108222	0.92969
XLOC_009028	CDK12	chr17:37617738-37690800	4.45368	4.80063	0.108226	0.931473
XLOC_002109	CSRP1	chr1:201452657-201476381	102.965	110.988	0.108254	0.931471
XLOC_018770	CLIC1	chr6:31698357-31704341	580.75	626.01	0.108267	0.934426
XLOC_004999	GLIPR1	chr12:75874512-75905418	14.1821	15.2884	0.108368	0.965515
XLOC_010847	SAMD4B	chr19:39833107-39875537	10.2998	11.1034	0.108392	0.932231
XLOC_012103	NRBP1	chr2:27651472-27665124	54.5718	58.8301	0.108397	0.929635
XLOC_022493	FSD1L	chr9:108210314-108311381	0.982735	1.05944	0.108431	0.981753
XLOC_002825	DCLRE1C	chr10:14948870-14996094	2.89996	3.12642	0.108481	0.947008
XLOC_011047	ZNF473	chr19:50529211-50552031	3.00829	3.24328	0.10851	0.945946
XLOC_000693	PSMB4	chr1:151372040-151374411	504.46	543.884	0.108559	0.928653
XLOC_021232	SPDYE6	chr7:101986191-101996881	0.314684	0.339278	0.108566	1
XLOC_010715	NDUFA13	chr19:19627018-19639013	580.695	626.098	0.108607	0.929635
XLOC_012569	SLC39A10	chr2:196521531-196602421	3.7586	4.05274	0.108702	0.937187
XLOC_002871	MTPAP	chr10:30598729-30638267	7.62942	8.22661	0.108724	0.926258
XLOC_003094	BLOC1S2	chr10:102033034-10204644	16.0241	17.2787	0.108748	0.930066
XLOC_011970	UBE2S	chr19:55912649-55919325	545.379	588.081	0.108756	0.931471
XLOC_010934	CLPTM1	chr19:45457841-45496604	43.9633	47.4112	0.108929	0.927627
XLOC_018891	GTPBP2	chr6:43543877-43596936	37.2877	40.2129	0.108961	0.954677
XLOC_012207	AFTPH	chr2:64751438-64820138	6.0445	6.51966	0.109174	0.931471
XLOC_006267	RNASE7	chr14:21510384-21512392	0.0698069	0.0752951	0.109186	1
XLOC_004737	APOLD1	chr12:12878850-12944399	0.233893	0.252303	0.109306	1
XLOC_001332	DDOST	chr1:20978259-20988037	185.875	200.513	0.109368	0.928755
XLOC_009614	RAD51D,RFFL	chr17:33336130-33448541	12.9037	13.92	0.109372	0.942519
XLOC_010355	IER3IP1	chr18:44681389-44702745	41.6708	44.9539	0.109409	0.925771
XLOC_013953	DSN1	chr20:35380193-35402230	9.31093	10.0445	0.109409	0.942269
XLOC_007519	INO80	chr15:41271078-41408340	2.86744	3.09345	0.109452	0.942238
XLOC_002786	IDI2	chr10:1064846-1095061	7.91007	8.53389	0.109513	0.982267
XLOC_016475	UGT8	chr4:115519610-115598202	3.11048	3.35589	0.109556	0.950929
XLOC_008537	PYCARD	chr16:31212806-31214097	0.297495	0.320967	0.10956	1
XLOC_015970	NME9	chr3:137906114-138048721	0.118904	0.128289	0.109593	1
XLOC_006464	KIAA1737	chr14:77564577-77583630	2.90754	3.13721	0.109682	0.945946
XLOC_005990	ING1	chr13:111364969-11137342	6.42402	6.93189	0.109774	0.946274

XLOC_014756	ASCC2	chr22:30184596-30234293	20.4841	22.1043	0.109827	0.92969
XLOC_000090	MFN2	chr1:12040237-12073572	9.77996	10.5536	0.109836	0.928909
XLOC_023284	SCML1	chrX:17755591-17773105	3.18557	3.43761	0.109853	0.950929
XLOC_006227	MCF2L-AS1	chr13:113621797-11362295	0.952035	1.02741	0.109921	0.979701
XLOC_021946	GTF2E2	chr8:30436030-30515738	22.5781	24.3657	0.109927	0.92969
XLOC_007347	MESDC1	chr15:81293294-81296345	17.0949	18.4488	0.109959	0.938194
XLOC_013868	RRBP1	chr20:17594322-17662928	16.5721	17.8858	0.110051	0.92844
XLOC_017900	ZNF300	chr5:150273953-15028454	5.9336	6.40396	0.110056	0.937399
XLOC_008393	LOC100507501	chr16:4295825-4303790	2.27814	2.45874	0.110061	0.963536
XLOC_001544	NRD1	chr1:52082545-52344609	21.2603	22.9458	0.110072	0.95467
XLOC_023279	SYAP1	chrX:16737706-16780807	22.7868	24.5956	0.1102	0.923433
XLOC_000684	PRUNE	chr1:150980972-15100818	5.07774	5.4808	0.1102	0.943036
XLOC_023616	MST4	chrX:131157244-13120997	10.8327	11.6928	0.110232	0.92969
XLOC_011216	AURKC	chr19:57742376-57746916	0.727068	0.7848	0.110234	0.979701
XLOC_021552	ASH2L	chr8:37963010-37997598	8.94422	9.65454	0.110253	0.935836
XLOC_007183	CASC4	chr15:44580908-44707959	8.09086	8.73373	0.110305	0.930777
XLOC_004909	METTL7B	chr12:56075329-56106089	2.03665	2.19848	0.11031	0.982937
XLOC_010046	SIRT7	chr17:79869814-79876058	20.8908	22.5526	0.110425	0.933417
XLOC_012257	HTRA2	chr2:74753774-74784678	18.2732	19.7273	0.110463	0.985982
XLOC_021168	BET1	chr7:93620999-93633690	9.61933	10.3849	0.110476	0.930157
XLOC_005038	ELK3	chr12:96588206-96661606	8.67526	9.36594	0.110516	0.945082
XLOC_006289	DHRS4L2	chr14:24439082-24475617	11.703	12.6347	0.11052	0.945946
XLOC_019114	REPS1	chr6:139225619-13930939	15.442	16.6721	0.110576	0.928018
XLOC_019203	DLL1	chr6:170591293-17059969	6.34794	6.85396	0.110648	0.946257
XLOC_000237	YTHDF2	chr1:29063132-29096287	30.8874	33.3552	0.110891	0.922006
XLOC_020904	FTSJ3	chr7:2273925-2281833	17.9764	19.4126	0.110892	0.931473
XLOC_022414	NAA35	chr9:88556056-88637217	8.78423	9.48611	0.110901	0.934345
XLOC_003011	ZNF503	chr10:77157602-77168740	8.24328	8.90196	0.110906	0.950929
XLOC_004515	KDEL2C	chr11:108342832-1083691	3.78962	4.09247	0.110917	0.935939
XLOC_001955	IGSF8	chr1:160061128-16006861	17.7115	19.127	0.110931	0.935062
XLOC_023280	TXLNG	chrX:16804554-16862642	12.1183	13.0873	0.110974	0.928909
XLOC_021012	KIAA0895	chr7:36363758-36493400	0.453256	0.489501	0.110987	0.993379
XLOC_024096	PLAC1	chrX:133699872-13379251	0.229511	0.247866	0.110996	1
XLOC_001953	PIGM	chr1:159997461-16000178	2.36623	2.55547	0.110999	0.948689
XLOC_017773	CCDC112	chr5:114602884-11463245	1.99556	2.15532	0.111105	0.956373
XLOC_017135	GPX8	chr5:54408798-54469005	14.5186	15.6809	0.11111	0.926813
XLOC_013741	VAPB	chr20:56964174-57026156	6.43082	6.94575	0.111126	0.922006
XLOC_002991	ECD	chr10:74894281-74927853	10.9201	11.7952	0.111217	0.931471
XLOC_012895	PREPL	chr2:44502596-44589001	4.18283	4.51807	0.111226	0.932231
XLOC_021696	SPAG1	chr8:101170262-10125413	3.57967	3.86672	0.111286	0.938305
XLOC_021963	WHSC1L1	chr8:38132560-38239790	5.35951	5.7895	0.111336	0.93351
XLOC_022731	TTC39B	chr9:15170841-15307358	0.434828	0.469718	0.111335	0.970558
XLOC_016398	BMP2K	chr4:79697531-79833341	2.17567	2.35031	0.111397	0.956033
XLOC_006646	KLC1	chr14:104095524-1041818	17.4007	18.7975	0.111398	0.950929
XLOC_006643	MARK3	chr14:103851700-1039701	20.3447	21.9785	0.111444	0.928902
XLOC_012038	RNF144A	chr2:7052406-7184309	2.02032	2.18257	0.111444	0.945946
XLOC_000617	TTF2	chr1:117602948-11764549	4.34591	4.69496	0.111454	0.932468
XLOC_015765	MUSTN1,TMEM110,TMEM1	chr3:52867130-52931597	5.18484	5.60137	0.111481	0.966946
XLOC_013684	PIGT	chr20:44044706-44054885	64.7494	69.9584	0.11163	0.92969
XLOC_020771	NUP205	chr7:135242661-13533349	16.433	17.7552	0.111649	0.922579
XLOC_004610	TMEM218	chr11:124964265-1249816	2.45801	2.65578	0.111649	0.948088
XLOC_005363	TM7SF3	chr12:27124505-27167339	9.8953	10.6924	0.111769	0.926446
XLOC_014753	THOC5	chr22:29904155-29949736	24.9289	26.9378	0.11181	0.925094
XLOC_005774	EIF2B1	chr12:124105569-1241471	12.8467	13.8823	0.111852	0.967901
XLOC_023161	QSOX2	chr9:139098181-13913768	19.951	21.5596	0.111872	0.92385
XLOC_004234	OSBP	chr11:59341870-59383617	15.3128	16.5475	0.111875	0.923433
XLOC_000936	C1orf27	chr1:185703682-18644665	3.12847	3.38095	0.111972	0.979733
XLOC_008350	SNORA10	chr16:2012061-2014827	44.1503	47.7145	0.112004	0.995528
XLOC_022930	SPTLC1	chr9:94793426-94877690	25.5635	27.6291	0.112105	0.942519
XLOC_012381	CHCHD5	chr2:113342035-11334661	35.5281	38.3995	0.112126	0.944284
XLOC_012195	PEX13	chr2:61167547-61279125	3.6655	3.9618	0.112144	0.938444
XLOC_003138	GPAM	chr10:113909621-1139435	1.31144	1.41759	0.112289	0.947008
XLOC_010492	PIAS4	chr19:4007748-4038067	9.99612	10.8054	0.112313	0.946393
XLOC_008211	DDX19B	chr16:70323669-70380650	12.3275	13.3263	0.112398	0.933023
XLOC_004122	LGR4	chr11:27387507-27494334	1.15092	1.24428	0.112525	0.953101
XLOC_021643	HNF4G	chr8:76452202-76479061	0.405241	0.438156	0.112667	0.970195
XLOC_003900	EI24	chr11:125439297-1254545	47.0611	50.8845	0.11269	0.922247
XLOC_015822	FAM86DP	chr3:75470702-75484266	4.62137	4.99682	0.11269	0.948529
XLOC_012285	MRPL35	chr2:86426555-86440477	9.49562	10.2671	0.112695	0.943545
XLOC_013593	KIF3B	chr20:30865453-30922811	2.7643	2.98894	0.112722	0.938194
XLOC_003856	CCDC84	chr11:118868851-1188890	14.0152	15.1544	0.112739	0.99351
XLOC_014794	APOL2	chr22:36622254-36636000	4.21607	4.5589	0.112785	0.945946
XLOC_014202	PWP2	chr21:45527207-45551063	20.7446	22.4324	0.112851	0.926258
XLOC_016517	USP38	chr4:144106069-14414314	2.82935	3.05961	0.112878	0.937757
XLOC_017140	SETD9	chr5:56205086-56247954	2.79228	3.01957	0.1129	0.979701
XLOC_015158	SLMAP	chr3:57743173-57914894	4.41077	4.76997	0.112949	0.933023
XLOC_006534	WDR25	chr14:100842754-1009966	4.1411	4.47839	0.112966	0.95534
XLOC_003939	RNH1	chr11:494511-507283	102.045	110.359	0.113003	0.925191
XLOC_012109	SLC4A1AP	chr2:27848505-27917847	7.43827	8.04436	0.113011	0.979701

XLOC_020355	FSCN1	chr7:5632435-5646287	156.963	169.755	0.113029	0.923433
XLOC_002235	TAF5L	chr1:229728865-229761794	6.53759	7.07048	0.11305	0.93549
XLOC_008227	DHX38	chr16:72118755-72146811	12.7226	13.7602	0.113103	0.950929
XLOC_007699	SNUPN	chr15:75890423-75918719	18.0149	19.486	0.113248	0.930872
XLOC_011311	CACTIN	chr19:3607244-3626813	12.8234	13.8711	0.113299	0.932468
XLOC_005739	MSI1	chr12:120779132-12080698	17.4453	18.8707	0.113312	0.926446
XLOC_006419	KIAA0247	chr14:70078309-70181861	1.50531	1.62832	0.113322	0.952216
XLOC_000221	FAM76A	chr1:28052489-28089423	1.25511	1.35767	0.113322	0.959465
XLOC_020617	ACN9	chr7:96745904-96811075	11.5955	12.543	0.113324	0.931471
XLOC_000886	SUCO	chr1:172502259-172580973	2.96581	3.20836	0.113406	0.933023
XLOC_012945	SPRED2	chr2:65537984-65659656	8.86963	9.59541	0.113471	0.924106
XLOC_020571	DTX2	chr7:76090971-76135312	11.2036	12.1205	0.11348	0.942284
XLOC_007600	MNS1	chr15:56657643-56757335	0.502842	0.543998	0.113496	0.979701
XLOC_009558	TMEM11	chr17:21101262-21117908	24.5457	26.5549	0.113511	0.933132
XLOC_015258	SLC35A5	chr3:112280856-112303284	3.19716	3.459	0.113563	0.944284
XLOC_024033	CXorf56	chrX:118672111-11869939	9.77839	10.5794	0.113589	0.930922
XLOC_016500	HSPA4L	chr4:128703452-128754524	2.82645	3.058	0.113596	0.944284
XLOC_012379	TTL	chr2:113239742-113290222	9.85692	10.6645	0.113613	0.922383
XLOC_006845	HIF1A-AS2	chr14:62162118-62215807	9.44157	10.2152	0.113626	0.947008
XLOC_020531	SBDSP1	chr7:72299951-72307978	15.9806	17.291	0.113703	0.92969
XLOC_018923	TRAM2	chr6:52362199-52441862	2.68064	2.90049	0.113718	0.935312
XLOC_006219	IRS2	chr13:110406183-11043897	3.69198	3.99488	0.113759	0.938811
XLOC_016992	DDX60	chr4:169137441-169239958	0.2263	0.244872	0.11379	1
XLOC_010148	C1orf8	chr18:21083433-21166581	9.65	10.442	0.113791	0.976214
XLOC_017115	C5orf51	chr5:41904469-41921738	4.50958	4.87975	0.113814	0.931733
XLOC_022579	LOC389791	chr9:130890807-130892913	0.342285	0.370399	0.11388	0.979944
XLOC_007621	DAPK2	chr15:64199234-64338521	0.856856	0.927259	0.113919	0.967901
XLOC_006368	PELI2	chr14:56585092-56768031	0.601358	0.650769	0.113921	0.96128
XLOC_013861	TASP1	chr20:13370035-13619583	2.91464	3.15441	0.114054	0.952905
XLOC_022169	KIAA0196	chr8:126036502-126104067	11.9039	12.8836	0.114108	0.922881
XLOC_019023	PDS52	chr6:107473760-107780778	2.37652	2.57213	0.114111	0.950929
XLOC_002258	B3GALNT2	chr1:235530727-235667787	6.3418	6.86398	0.114153	0.942472
XLOC_008698	MBTPS1	chr16:84087368-84150517	14.4478	15.6375	0.114167	0.919147
XLOC_005050	SCYL2	chr12:100661548-10073397	4.97809	5.38805	0.11417	0.930066
XLOC_011321	ZBTB7A	chr19:4045215-4066816	8.25135	8.93212	0.114372	0.930481
XLOC_002654	BTRC	chr10:103113789-10331707	2.74492	2.97147	0.114414	0.934181
XLOC_021160	CDK6	chr7:92234234-92465941	2.34934	2.54349	0.11455	0.926225
XLOC_001887	GBA	chr1:155204238-155214653	15.8055	17.1126	0.11463	0.923575
XLOC_0201913	LOXL2	chr8:231544409-23261722	0.43451	0.470469	0.114711	0.971854
XLOC_014147	IFNAR1	chr21:34697213-34732128	5.48971	5.94404	0.114715	0.926233
XLOC_018034	CDYL	chr6:4706392-4955778	7.22802	7.8263	0.114728	0.929478
XLOC_014866	CYBSR3	chr22:43013845-43045405	54.2857	58.7801	0.114755	0.918571
XLOC_010631	CC2D1A	chr19:14016955-14041693	19.3294	20.9298	0.114763	0.923433
XLOC_006481	ZC3H14	chr14:89029252-89079853	8.5403	9.24748	0.114773	0.926233
XLOC_015623	DYNCL1L1	chr3:32567462-32612366	17.3754	18.8145	0.114801	0.918898
XLOC_011641	DPF1	chr19:38701648-38720317	2.78189	3.01238	0.114841	0.959465
XLOC_001660	GCLM	chr1:94352589-94375012	2.48202	2.68768	0.114851	0.950408
XLOC_002056	TOR1AIP2	chr1:179809101-179846947	15.982	17.3066	0.114872	0.919186
XLOC_016333	POLR2B	chr4:57845108-58071465	22.5435	24.4119	0.114876	0.920963
XLOC_006969	SETD3	chr14:99864082-99947226	10.232	11.0802	0.114891	0.930414
XLOC_023126	DDX31	chr9:135469675-135565470	14.7114	15.9311	0.11492	0.953101
XLOC_0011291	AP3D1	chr19:2100986-2151556	14.1584	15.3336	0.115034	0.919505
XLOC_000757	MTX1	chr1:155178489-155197321	46.722	50.6005	0.115049	0.920028
XLOC_016863	DNAJB14	chr4:100820709-100867878	1.29282	1.40016	0.115075	0.955758
XLOC_012434	PLEKHB2	chr2:131862419-131907421	34.1892	37.0282	0.115085	0.922006
XLOC_013138	POLR2D	chr2:128603839-128615721	11.6681	12.6371	0.115091	0.926899
XLOC_015120	MAPKAPK3	chr3:50649292-50686728	63.9804	69.2944	0.11511	0.919029
XLOC_010214	LOC100505549	chr18:55297533-55470327	0.943942	1.02235	0.115125	0.970558
XLOC_000836	DUSP12	chr1:161719580-161726952	22.8176	24.7134	0.115145	0.931466
XLOC_022352	POLR1E	chr9:37485944-37503693	34.256	37.1025	0.115161	0.921879
XLOC_018835	SRPK1	chr6:35800810-35888957	24.0537	26.0534	0.115211	0.919721
XLOC_022152	TAF2	chr8:120743013-120845074	5.16216	5.59176	0.115327	0.924847
XLOC_000888	PRDX6	chr1:173446485-173457946	273.941	296.756	0.115415	0.92313
XLOC_015699	SLC25A20	chr3:48894355-48936426	3.4302	3.7159	0.115417	0.954768
XLOC_001265	MTOR	chr1:11166587-11322608	2.67238	2.89496	0.115421	0.930066
XLOC_012172	TTC7A	chr2:47129008-47303275	3.03494	3.28773	0.115423	0.987693
XLOC_018935	KLHL31	chr6:53512698-53530506	0.0287501	0.031146	0.115479	1
XLOC_006914	SPTLC2	chr14:77972339-78083110	6.50238	7.04431	0.115489	0.919911
XLOC_014307	DONSON	chr21:34949858-34961014	11.3454	12.2913	0.115534	0.926446
XLOC_022144	TRP1	chr8:116420723-116681221	0.486306	0.526852	0.115534	0.954677
XLOC_018883	MRPL2	chr6:43021766-43027242	42.9966	46.5829	0.115576	0.923894
XLOC_005320	LOH12CR2	chr12:12508341-12510001	0.363012	0.393304	0.115629	0.979701
XLOC_012198	AHS2	chr2:61404554-61697849	4.30627	4.66593	0.115728	0.976618
XLOC_020600	FZD1	chr7:90893782-90898132	1.80948	1.96066	0.115761	0.95534
XLOC_007635	CLPX	chr15:65442783-65477563	10.3533	11.2183	0.115764	0.92385
XLOC_014975	PLCL2	chr3:16926451-17132098	1.26476	1.37044	0.115773	0.978981
XLOC_018897	AARS2	chr6:44266462-44281063	6.19941	6.7178	0.115857	0.927456
XLOC_004931	SPRYD4	chr12:56862300-56882181	8.44945	9.15614	0.115882	0.967102
XLOC_002007	NME7	chr1:169075946-169337181	8.17628	8.86025	0.115902	0.969639

XLOC_001917	MRPL24	chr1:156707093-156710923	99.247	107.549	0.115904	0.920199
XLOC_005136	SIRT4	chr12:120740123-12075104	1.69767	1.83968	0.115905	0.969963
XLOC_013164	LOC100129961	chr2:135596185-135676171	0.217303	0.235484	0.115921	1
XLOC_005822	CDK8	chr13:26828755-26978569	3.41166	3.69731	0.115999	0.950929
XLOC_003230	TALDO1	chr11:747431-765024	140.387	152.143	0.116016	0.915091
XLOC_014584	EP300	chr22:41488613-41576081	1.3245	1.43546	0.116065	0.942519
XLOC_012876	HNRPLL	chr2:38790327-38830178	7.49539	8.12411	0.116206	0.927013
XLOC_019147	FBXO5	chr6:153291657-15330474	8.38817	9.09196	0.116235	0.931822
XLOC_010928	PVRL2	chr19:45349392-45392485	47.9184	51.9393	0.116248	0.922247
XLOC_010756	GPATCH1	chr19:33571785-33621318	1.85976	2.01587	0.116288	0.952905
XLOC_009105	GRN	chr17:42422490-42430470	154.24	167.198	0.116381	0.920028
XLOC_000998	TMCC2	chr1:205197037-20524247	1.60169	1.73631	0.116424	0.958432
XLOC_019019	ATG5	chr6:106632351-10677369	8.19635	8.88528	0.116436	0.928902
XLOC_002491	KIAA1279	chr10:70748476-70776739	6.17761	6.69705	0.116476	0.934394
XLOC_007959	ABCC1	chr16:16043433-16236930	10.4096	11.285	0.116486	0.918079
XLOC_018174	MRPS18B	chr6:30585485-30594174	77.8817	84.4339	0.116539	0.917453
XLOC_006796	NEMF	chr14:50250531-50319539	3.11782	3.38039	0.11665	0.935062
XLOC_013897	APMAP	chr20:24943579-24973425	51.3942	55.723	0.116666	0.917325
XLOC_022592	SET	chr9:131445933-13145867	291.742	316.316	0.11667	0.927627
XLOC_000190	TMEM50A	chr1:25664788-25747363	33.5697	36.4008	0.116807	0.919029
XLOC_006860	ATP6V1D	chr14:67804580-67826720	27.0599	29.3424	0.116828	0.919541
XLOC_016000	WVTR1	chr3:149235021-14942106	2.10578	2.28347	0.116871	0.942472
XLOC_003540	DAK	chr11:61066918-61136975	7.99151	8.66615	0.116923	0.98922
XLOC_015490	MAP3K13	chr3:185000728-18520688	9.8668	10.7001	0.116964	0.935062
XLOC_009336	BAHCC1	chr17:79373539-79433358	1.10515	1.19857	0.117074	0.950929
XLOC_008324	NARFL	chr16:779768-790997	13.0429	14.1459	0.117119	0.932136
XLOC_007134	FAM98B	chr15:38746327-38777063	4.51847	4.90071	0.117157	0.948088
XLOC_018439	CEP57L1	chr6:109416355-10948511	1.60178	1.73733	0.117195	0.954677
XLOC_005779	DHX37	chr12:125431369-1254736	12.3989	13.4482	0.117203	0.922006
XLOC_008686	ADAT1	chr16:75632246-75657221	0.777926	0.843843	0.117341	0.963209
XLOC_018349	EFHC1	chr6:52284993-52360583	1.09656	1.18949	0.117357	0.950929
XLOC_001062	MARC1	chr1:220960038-22098774	9.36598	10.1603	0.11744	0.930269
XLOC_012276	VAMP8	chr2:85804613-85809156	1.05393	1.14332	0.117446	0.979701
XLOC_013642	CTNBL1	chr20:36322433-36500520	25.1142	27.2444	0.117453	0.919186
XLOC_018438	ARMC2	chr6:109169618-10929535	0.0755824	0.0819941	0.117469	1
XLOC_022476	NR4A3	chr9:102584136-10262917	0.271772	0.294827	0.117473	1
XLOC_015920	OSBPL1	chr3:125247701-12531438	1.3831	1.50045	0.117483	0.948179
XLOC_008717	KLHDC4	chr16:87741417-87799598	17.2817	18.7483	0.117512	0.926899
XLOC_016852	EIF4E	chr4:99799606-99851786	16.6376	18.0497	0.117529	0.918042
XLOC_010779	FXYD5	chr19:35645624-35660788	450.567	488.808	0.117529	0.918619
XLOC_023348	RBM10	chrX:47004616-47046214	34.7	37.6456	0.117543	0.920028
XLOC_021155	CYP51A1	chr7:91741462-91764059	29.586	32.0979	0.117563	0.913628
XLOC_015095	TMA7	chr3:48481685-48485537	468.915	508.767	0.117677	0.918342
XLOC_017245	ERAP2	chr5:96211643-96255406	3.54183	3.84284	0.117678	0.926446
XLOC_001371	PAFAH2	chr1:26286257-26324648	2.90345	3.15023	0.117689	0.939261
XLOC_020979	HOXA6	chr7:27179982-27196296	0.235403	0.255414	0.117708	1
XLOC_002104	TMEM9	chr1:201103899-20112363	71.5281	77.6091	0.117714	0.917379
XLOC_014984	UBE2E1	chr3:23847383-23933131	49.9807	54.2301	0.117723	0.918993
XLOC_023053	RBM18	chr9:125001833-12508574	7.31085	7.9325	0.117737	0.974585
XLOC_001718	RHOC	chr1:113243748-11325002	281.442	305.385	0.117794	0.919029
XLOC_010632	DCAF15	chr19:14041999-14072256	27.6556	30.0102	0.117884	0.919186
XLOC_014201	TRAPPC10	chr21:45432205-45526432	2.67668	2.90462	0.117901	0.931471
XLOC_003192	MK167	chr10:129894924-1299244	9.75496	10.5857	0.117904	0.914275
XLOC_005318	LRP6	chr12:12268960-12419811	1.12456	1.22035	0.117932	0.934181
XLOC_001463	MTF1	chr1:38275238-38325292	1.1077	1.20209	0.117977	0.944314
XLOC_016800	SDAD1	chr4:76871067-76912113	9.39485	10.1959	0.118051	0.922257
XLOC_004729	LOC100129361	chr12:10984447-11328619	4.78132	5.18932	0.118135	0.92969
XLOC_009777	FAM171A2	chr17:42431100-42441235	7.79737	8.46309	0.118197	0.948836
XLOC_014578	ADSL	chr22:40742503-40762575	62.6895	68.0419	0.118199	0.918342
XLOC_006732	IPO4	chr14:24641233-24658124	32.0812	34.8217	0.118257	0.917325
XLOC_010841	MRPS12	chr19:39405903-39423659	117.288	127.309	0.118282	0.935939
XLOC_017031	LRP2BP	chr4:186131283-18630015	0.318953	0.346207	0.118291	1
XLOC_006155	DIS3	chr13:73302041-73590591	6.17865	6.70678	0.118327	0.939025
XLOC_008641	CHTF8	chr16:69139466-69166493	34.2956	37.2329	0.118553	0.920505
XLOC_012404	DBI	chr2:120124503-12013012	190.81	207.154	0.118564	0.916932
XLOC_018162	HCG9	chr6:29942891-29946177	0.166432	0.1807	0.118659	1
XLOC_004264	B3GAT3	chr11:62382767-62389647	37.3614	40.5647	0.118674	0.920028
XLOC_011378	CTXN1	chr19:7989380-7991051	28.1681	30.5852	0.118771	0.935939
XLOC_020404	CBX3	chr7:26240830-26253227	72.029	78.2168	0.118901	0.918898
XLOC_019034	WASF1	chr6:110421021-11050120	3.10297	3.36961	0.118933	0.945946
XLOC_012033	ALLC	chr2:3705785-3750260	0.188547	0.204767	0.11906	1
XLOC_015264	ATP6V1A	chr3:113465865-11353090	6.3544	6.90142	0.119138	0.920766
XLOC_011157	NDUFA3	chr19:54606159-54610281	195.054	211.845	0.11914	0.921432
XLOC_002394	RAB18	chr10:27793102-27831166	9.8307	10.6777	0.119236	0.915394
XLOC_021927	CLU	chr8:27454433-27472328	38.3682	41.6748	0.119265	0.917325
XLOC_015110	RBM6	chr3:49977476-50114685	13.1828	14.3196	0.119337	0.918471
XLOC_013406	TRIP12	chr2:230631929-23078665	8.85051	9.6142	0.119406	0.913628
XLOC_006363	MAPK11P1L	chr14:55518361-55536912	10.4392	11.34	0.119413	0.914686
XLOC_008394	TFAP4	chr16:4307186-4323001	13.9629	15.1682	0.11945	0.92969

XLOC_000172	KDM1A	chr1:23345940-23410184	51.5945	56.0495	0.119483	0.916838
XLOC_000367	TSPAN1	chr1:46640748-46651634	0.234715	0.254986	0.119509	1
XLOC_017507	UNC5A	chr5:176237559-176326333	1.38775	1.50762	0.119523	0.959465
XLOC_017683	TAF9	chr5:68647552-68710630	96.9392	105.313	0.119534	0.931471
XLOC_013135	IWS1	chr2:128238382-128284087	11.351	12.3321	0.11961	0.919029
XLOC_000255	EIF3I	chr1:32687970-32697205	232.306	252.394	0.119651	0.914427
XLOC_014295	URB1	chr21:33664123-33765312	3.96357	4.30635	0.119665	0.917379
XLOC_020925	DAGLB	chr7:6448746-6487643	19.0688	20.7187	0.119719	0.917325
XLOC_023142	VAV2	chr9:136627015-136857444	15.5455	16.8907	0.119733	0.913628
XLOC_011704	GSK3A	chr19:42734337-42746736	44.5228	48.3773	0.119784	0.917208
XLOC_017039	FAT1	chr4:187508936-187644987	1.21724	1.32268	0.119847	0.928909
XLOC_003588	GPR137	chr11:64037299-64056972	14.1087	15.3309	0.119853	0.976618
XLOC_004675	SCARNA10	chr12:6603297-6641132	1.55741	1.69236	0.119889	0.995309
XLOC_008643	TMED6	chr16:69377148-69385712	0.84266	0.915698	0.11992	0.978188
XLOC_015200	C3orf38	chr3:88101099-88207115	4.0546	4.40603	0.11992	0.979701
XLOC_015952	MRPL3	chr3:131181044-131221860	51.2549	55.6978	0.119931	0.913628
XLOC_002820	SEPHS1	chr10:13359437-13390298	21.046	22.8709	0.119969	0.916337
XLOC_008558	DNAJA2	chr16:46989273-47007625	24.4737	26.596	0.119977	0.913628
XLOC_007623	PPIB	chr15:64443915-64455354	694.694	754.982	0.120064	0.916838
XLOC_006897	PGF	chr14:75408532-75422467	17.5395	19.0623	0.120111	0.929635
XLOC_020656	POP7	chr7:100303675-100305123	131.653	143.098	0.120266	0.915576
XLOC_012619	PIKFYVE	chr2:209130990-209223471	1.58765	1.72567	0.120267	0.929495
XLOC_013019	ST3GAL5	chr2:86066270-86116157	1.88168	2.04531	0.120295	0.954188
XLOC_010829	SPINT2	chr19:38755097-38783254	2.23834	2.43314	0.120393	0.960403
XLOC_022535	MRRF	chr9:125001833-125085742	42.2321	45.9084	0.120416	0.93149
XLOC_023788	RPS6KA3	chrX:20168028-20284750	3.37325	3.6674	0.120617	0.922006
XLOC_021537	DCTN6	chr8:29920257-30108213	16.5285	17.9702	0.12065	0.982586
XLOC_008560	ITFG1	chr16:47189297-47495015	10.4395	11.3505	0.120705	0.922881
XLOC_013147	SMPD4	chr2:130908964-130948300	20.198	21.9612	0.120745	0.967901
XLOC_012835	PREB	chr2:27346656-27357542	44.0181	47.8608	0.120747	0.912767
XLOC_014853	NHP2L1	chr22:42069936-42084913	142.389	154.824	0.120794	0.913628
XLOC_008830	WRAP53	chr17:7571719-7606820	20.1742	21.9379	0.120918	0.969627
XLOC_005487	AAAS	chr12:53701239-53715412	24.3958	26.531	0.121044	0.919029
XLOC_003092	CWF19L1	chr10:101992054-10202743	55.2278	11.6871	0.12112	0.917639
XLOC_010834	SPRED3	chr19:38880839-38890523	1.67749	1.8244	0.121125	0.945946
XLOC_018402	C6orf163	chr6:88054570-88075181	0.161168	0.175285	0.12114	1
XLOC_012640	PNKD	chr2:219135114-219211511	55.2278	60.0658	0.121149	0.980559
XLOC_015118	CYB561D2	chr3:50384918-50391496	35.4796	38.5886	0.121186	0.950929
XLOC_004978	SLC35E3	chr12:69139935-69159853	5.65644	6.15227	0.121226	0.930066
XLOC_021325	CHCHD3	chr7:132469622-132766821	74.9517	81.524	0.121264	0.913019
XLOC_018762	C6orf47	chr6:31626074-31628549	10.1351	11.0238	0.121264	0.920028
XLOC_012701	COP5TB	chr2:232651161-232673434	20.1941	21.9657	0.121317	0.918116
XLOC_021090	SBDS	chr7:66452689-66460588	48.9961	53.295	0.121335	0.91236
XLOC_014311	RCAN1	chr21:35888783-35987382	10.5067	11.429	0.121389	0.92385
XLOC_005227	FOXM1	chr12:2945981-2998691	24.7105	26.8798	0.121402	0.929635
XLOC_011869	JOSD2	chr19:51009253-51014612	50.3467	54.7697	0.121481	0.922006
XLOC_011763	SIX5	chr19:46268042-46272497	12.5575	13.6607	0.121485	0.922881
XLOC_010431	PTBP1	chr19:797391-812327	143.431	156.033	0.121496	0.913628
XLOC_017878	LARS	chr5:145492588-145562294	27.3586	29.7632	0.121533	0.912776
XLOC_004137	FBXO3	chr11:33762489-33796071	6.5401	7.11496	0.121542	0.93038
XLOC_004946	PIP4K2C	chr12:57984941-57997211	10.4216	11.3377	0.12155	0.918983
XLOC_021794	FAM203A	chr8:145192671-145195620	2.16642	2.35689	0.121572	0.961
XLOC_022290	SH3GL2	chr9:17578952-17797122	0.0495431	0.0538992	0.121577	1
XLOC_021187	SMURF1	chr7:98625057-98741743	6.37375	6.93461	0.121672	0.919384
XLOC_010042	P4HB	chr17:79801033-79818544	409.218	445.261	0.121783	0.919285
XLOC_018876	TRERF1	chr6:42192668-42419783	2.64176	2.87447	0.121793	0.929369
XLOC_000451	LRRC7	chr1:70225857-70589171	0.00713742	0.00776617	0.1218	1
XLOC_008807	ELP5	chr17:7155371-7166512	49.0244	53.3435	0.12181	0.915091
XLOC_017731	TMEM161B	chr5:87491022-87564665	4.44914	4.84127	0.121859	0.930939
XLOC_012965	FAM136A	chr2:70523107-70529220	34.3386	37.3656	0.12188	0.911837
XLOC_010364	ACAA2	chr18:47309873-47340251	34.955	38.0399	0.122018	0.912689
XLOC_012769	TSSC1	chr2:3192740-3381653	14.5123	15.7933	0.122036	0.923433
XLOC_018761	BAG6	chr6:31606804-31625987	64.0876	69.745	0.122044	0.916838
XLOC_013021	POLR1A	chr2:86253450-86333278	4.60183	5.00832	0.12212	0.918898
XLOC_001237	ICMT	chr1:6266188-6296044	11.278	12.2744	0.122134	0.919029
XLOC_022478	INVS	chr9:102861501-103063421	4.47414	4.86955	0.122177	0.926423
XLOC_003850	ARCN1	chr11:118443101-11847374	25.8491	28.1343	0.122219	0.908749
XLOC_014007	SLC35C2	chr20:44978176-44993064	29.9045	32.5498	0.122284	0.913628
XLOC_020631	ZKSCAN5	chr7:99102272-99131445	4.4093	4.79943	0.122314	0.919739
XLOC_017708	TBCA	chr5:76986994-77072185	288.756	314.306	0.122319	0.913628
XLOC_008790	RPAIN	chr17:5289345-5342471	40.7852	44.3954	0.122365	0.982629
XLOC_006869	DCAF5	chr14:69517636-69619914	4.80004	5.2251	0.122414	0.917325
XLOC_010145	RBBP8	chr18:20513294-20606449	4.98147	5.42263	0.122421	0.92969
XLOC_010134	RNMT	chr18:13726703-13764554	8.51215	9.26606	0.122431	0.912327
XLOC_006028	EFHA1	chr13:22066827-22178355	12.1773	13.2559	0.122432	0.917159
XLOC_005618	ATP2B1	chr12:89981825-90049844	1.2736	1.3864	0.122432	0.932468
XLOC_023954	MAGT1	chrX:77081861-77151065	10.1406	11.0388	0.122434	0.912689
XLOC_018454	MARCKS	chr6:114178526-114184652	11.6437	12.6757	0.122524	0.912689
XLOC_005079	PWP1	chr12:108079589-10810621	30.145	32.818	0.12257	0.912696

XLOC_013611	CHMP4B	chr20:32399109-32442173	64.8078	70.5552	0.122586	0.908273
XLOC_015303	UMPS	chr3:124449212-124468115	4.94908	5.38802	0.122594	0.913825
XLOC_005502	ITGA5	chr12:54789044-54813050	24.1061	26.2455	0.122669	0.909016
XLOC_015321	RAB7A	chr3:128444978-128533641	97.5395	106.197	0.122684	0.914313
XLOC_008759	RAP1GAP2	chr17:2699731-2941035	5.99356	6.52605	0.122797	0.917379
XLOC_001451	MRPS15	chr1:36921361-36930040	118.754	129.318	0.122943	0.909016
XLOC_010559	ZNF317	chr19:9251055-9274091	9.98862	10.8772	0.122953	0.913628
XLOC_003146	ABLIM1	chr10:116190868-11644441	9.35102	10.1831	0.122974	0.910156
XLOC_003822	PTS	chr11:112097087-11210465	14.1921	15.4553	0.123009	0.930727
XLOC_018482	TPD52L1	chr6:125474878-125584644	24.2843	26.4457	0.123013	0.917208
XLOC_012212	ACTR2	chr2:65454828-65498390	34.757	37.8507	0.123015	0.909179
XLOC_005793	ANKLE2	chr12:133302253-13333845	13.8971	15.1342	0.123035	0.912767
XLOC_023099	GOLGA2	chr9:131018107-131038265	21.8982	23.8478	0.123043	0.909768
XLOC_001243	NOL9	chr1:6581406-6614658	5.94893	6.4786	0.123054	0.912696
XLOC_019151	CNKSR3	chr6:154726432-154831755	1.69298	1.84379	0.123111	0.950929
XLOC_015941	H1FX	chr3:129033613-129043412	257.929	280.908	0.123123	0.90907
XLOC_013678	STK4	chr20:43595119-43708593	6.43125	7.00439	0.123161	0.91236
XLOC_003649	C11orf80,RCE1	chr11:66512206-66614003	25.8188	28.1203	0.123191	0.931471
XLOC_006762	SPTSSA	chr14:34902143-34931468	11.3282	12.3385	0.12324	0.915488
XLOC_013540	MGME1	chr20:17949761-17971762	10.7358	11.6933	0.123251	0.919186
XLOC_001095	RNF187	chr1:228675067-228683885	58.5331	63.7539	0.123263	0.912308
XLOC_000737	UBAP2L	chr1:154179182-154243325	22.0442	24.0108	0.123285	0.973792
XLOC_002486	CCAR1	chr10:70480970-70551309	6.12215	6.6685	0.123324	0.916838
XLOC_013250	NFE2L2	chr2:178095030-178129855	12.2068	13.2964	0.123354	0.918983
XLOC_018314	TJAP1	chr6:43445260-43474294	16.7596	18.2557	0.123358	0.916894
XLOC_001056	LYPLAL1	chr1:219347191-219386207	11.1255	12.1187	0.123369	0.92385
XLOC_009808	COPZ2	chr17:46103532-46115152	6.25261	6.81089	0.123384	0.950929
XLOC_000297	NDUFS5	chr1:39491966-39500308	378.104	409.689	0.123397	0.911656
XLOC_012147	MORN2	chr2:39103102-39109850	8.08553	8.80797	0.123468	0.946765
XLOC_022563	MVB12B	chr9:129089122-129269320	6.44169	7.0173	0.123477	0.919029
XLOC_009108	DBF4B	chr17:42785975-42829636	6.32517	6.89112	0.123635	0.926225
XLOC_003109	C10orf76	chr10:103605355-10381595	4.05921	4.42244	0.123643	0.925516
XLOC_001401	SRSF4	chr1:29474249-29508637	43.0687	46.9226	0.123645	0.909016
XLOC_000079	TARDBP	chr1:110726781-11085549	15.7981	17.2138	0.123807	0.909164
XLOC_015235	NFKBIZ,NXPE3	chr3:101498028-101579865	14.8149	16.1427	0.123837	0.916838
XLOC_002022	CEP85	chr1:26560692-26605299	5.41993	5.90579	0.123856	0.922312
XLOC_014559	CBY1	chr22:39052657-39069855	28.6759	31.2477	0.123908	0.915432
XLOC_010378	TXNL1	chr18:54270052-54305920	75.3021	82.0572	0.123939	0.909016
XLOC_003802	DDX10	chr11:108535815-108811164	8.74362	9.52808	0.123955	0.918379
XLOC_005532	PTGES3	chr12:57057124-57082078	173.414	188.974	0.123964	0.913628
XLOC_010478	GNA15	chr19:3136190-3163766	7.87592	8.58259	0.123966	0.933543
XLOC_012635	IGFBP2	chr2:217498126-217529155	40.8985	44.5701	0.12403	0.918898
XLOC_022887	C9orf40	chr9:77561498-77567802	11.6567	12.7046	0.124188	0.919029
XLOC_016869	SLC39A8	chr4:103172197-103266655	12.1286	13.219	0.124204	0.914275
XLOC_018784	ATF6B	chr6:32083044-32096017	41.9085	45.677	0.124222	0.907657
XLOC_006166	RNF219	chr13:78628989-79233314	3.36216	3.66454	0.124241	0.929369
XLOC_018968	HMGN3	chr6:79910961-79946517	26.1466	28.4981	0.124245	0.926423
XLOC_011454	WDR83OS	chr19:12777617-12792701	193.762	211.189	0.124245	0.942519
XLOC_010372	MBD2	chr18:51677970-51751158	11.1291	12.1306	0.124311	0.905695
XLOC_017926	CLINT1	chr5:157212750-157286183	7.90582	8.61773	0.124393	0.913628
XLOC_004867	MFS5	chr12:53645369-53648190	23.6707	25.8023	0.124398	0.917325
XLOC_014572	ATF4	chr22:39916568-39918691	473.951	516.638	0.124415	0.917325
XLOC_010612	ASNA1	chr19:12848305-12859137	87.8562	95.7699	0.124427	0.909489
XLOC_011762	FBXO46	chr19:46213886-46234151	13.6374	14.8659	0.124439	0.921047
XLOC_014675	CLTCL1	chr22:19166986-19279239	1.37456	1.4984	0.124451	0.943036
XLOC_024006	MORC4	chrX:106183963-10624347	7.30612	7.96494	0.124558	0.913628
XLOC_021454	ER11	chr8:8860313-8890849	6.1353	6.68862	0.124574	0.916438
XLOC_019205	PDCD2	chr6:170884659-170893780	35.7447	38.9688	0.124588	0.928086
XLOC_002589	PCGF5	chr10:92922768-93044088	11.7654	12.8274	0.124674	0.963457
XLOC_017053	SDHA	chr5:218355-256814	56.2118	61.2861	0.124686	0.908114
XLOC_023590	UBE2A	chrX:118708498-118718375	27.636	30.1315	0.124723	0.912153
XLOC_001370	STMN1	chr1:26210676-26233368	189.434	206.554	0.124821	0.90907
XLOC_011756	OPA3	chr19:46031024-46088122	3.19569	3.48458	0.124858	0.95835
XLOC_011461	PRDX2	chr19:12907633-12912694	563.096	614.004	0.124868	0.909694
XLOC_004657	TSPAN9	chr12:3186520-3395730	2.49895	2.72499	0.124927	0.938194
XLOC_023480	JPX	chrX:73164158-73513409	3.50879	3.82642	0.125021	0.953115
XLOC_012225	SNRNP27	chr2:70121074-70132368	19.5912	21.3648	0.125024	0.917363
XLOC_023844	TIMM17B	chrX:48750729-48760422	112.712	122.921	0.125087	0.950929
XLOC_022768	CAAP1	chr9:26840682-26892826	3.98523	4.34632	0.125134	0.931471
XLOC_014616	NUP50	chr22:45559725-45583890	10.4877	11.4382	0.125153	0.908586
XLOC_015522	OPA1	chr3:193310932-193415600	8.27813	9.02835	0.125158	0.909016
XLOC_018202	CSNK2B	chr6:31629005-31637843	237.314	258.821	0.12516	0.926423
XLOC_010689	CCDC124	chr19:18043823-18054794	229.155	249.926	0.125177	0.906816
XLOC_000178	PITHD1	chr1:24104875-24114722	32.0338	34.9376	0.125186	0.909435
XLOC_020686	RINT1	chr7:105172531-105221975	9.04534	9.86555	0.125224	0.913628
XLOC_001077	H3F3A	chr1:226250407-226259705	399.905	436.183	0.125273	0.908586
XLOC_002834	RSU1	chr10:16632616-16859453	10.2181	11.1454	0.125327	0.909179
XLOC_015182	ARL6IP5	chr3:69134089-69155239	14.9953	16.3566	0.125361	0.913628
XLOC_021943	TMEM66	chr8:29920257-30108213	53.5362	58.3977	0.125396	0.934737

XLOC_011198	NLRP4	chr19:56296762-56393220	0.0402486	0.0439046	0.125432	1
XLOC_002314	GTPBP4	chr10:1034348-1063708	43.6035	47.5652	0.125461	0.909016
XLOC_005370	IPO8	chr12:30781914-30848929	7.40666	8.07966	0.125472	0.906892
XLOC_004400	COA4	chr11:73583712-73638781	101.189	110.394	0.125608	0.928354
XLOC_014343	ZBTB21	chr21:43406939-43430496	2.32064	2.53178	0.125631	0.923433
XLOC_014466	SPECC1L	chr22:24666789-24813708	6.44505	7.03149	0.125638	0.918718
XLOC_011983	ZSCAN5A	chr19:56732678-56739659	0.586777	0.640196	0.125702	0.972374
XLOC_011667	EID2	chr19:40029446-40030838	26.1416	28.522	0.12573	0.918416
XLOC_003265	STIM1	chr11:3876932-4114440	9.52699	10.3947	0.125751	0.913628
XLOC_013226	METTL5	chr2:170655321-170681353	62.3755	68.0608	0.125843	0.961224
XLOC_006896	RPS6KL1	chr14:75370656-75389145	1.24951	1.36346	0.125903	0.948068
XLOC_007958	NDE1	chr16:15737123-15950887	5.43981	5.93589	0.125908	0.931471
XLOC_021695	POLR2K	chr8:101162838-101166230	56.0357	61.1459	0.125909	0.907929
XLOC_017432	SLC36A1	chr5:150827162-150871940	1.12513	1.22779	0.12597	0.947008
XLOC_017220	ZCCHC9	chr5:80256507-81047072	18.9992	20.7329	0.125981	0.938194
XLOC_004961	TMEM5	chr12:64173636-64202887	9.9082	10.813	0.126071	0.926995
XLOC_020547	EIF4H	chr7:73588705-73611429	185.079	201.982	0.126088	0.908531
XLOC_010010	CANT1	chr17:76987797-77005899	22.9947	25.0951	0.1261	0.903682
XLOC_007593	RAB27A	chr15:55495163-55582013	2.08748	2.27818	0.126115	0.936288
XLOC_021859	SOX7	chr8:10581277-10588022	0.0936881	0.102255	0.126228	1
XLOC_008256	MLYCD	chr16:83932729-83949787	7.41483	8.09342	0.126335	0.931473
XLOC_010465	SF3A2	chr19:2236815-2248678	105.68	115.353	0.126354	0.906464
XLOC_021308	TNPO3	chr7:128594233-128695227	16.2409	17.7275	0.126364	0.908114
XLOC_021906	BIN3	chr8:22462144-22526661	16.0782	17.5503	0.126393	0.978269
XLOC_018893	MRPL14	chr6:44081372-44095191	121.11	132.201	0.126412	0.907165
XLOC_008978	ZNF207	chr17:30677127-30697468	47.7209	52.092	0.126439	0.908789
XLOC_018666	TDP2	chr6:24650204-24667115	14.2688	15.5759	0.126448	0.912696
XLOC_005116	CCDC42B	chr12:113587662-11362321	0.182898	0.199654	0.126463	1
XLOC_015259	GTPBP8	chr3:112709799-112720227	8.23841	8.99327	0.126481	0.931255
XLOC_004930	IL23A	chr12:56732662-56734194	0.807386	0.881376	0.126499	0.976629
XLOC_009865	MKS1	chr17:56282796-56296966	9.52541	10.399	0.126593	0.918619
XLOC_021773	LY6E	chr8:144099901-144103827	445.133	486.022	0.126787	0.909164
XLOC_014604	SERHL2	chr22:42949924-42978017	0.0714373	0.0780001	0.126798	1
XLOC_018325	HSP90AB1	chr6:44213902-44221625	770.389	841.205	0.12687	0.922257
XLOC_013024	REEP1	chr2:86441119-86565206	0.804715	0.878701	0.126894	0.954559
XLOC_016255	NCAPG	chr4:17812435-18023483	5.3388	5.82971	0.126906	0.938194
XLOC_007407	FES	chr15:91427664-91439006	0.405762	0.44308	0.126933	0.974044
XLOC_018810	WDR46	chr6:33246879-33257304	37.2616	40.6889	0.126942	0.902585
XLOC_020883	NOM1	chr7:156742416-156765871	6.92227	7.55952	0.12705	0.909592
XLOC_019018	PREP	chr6:105725441-105850995	14.1275	15.4283	0.127068	0.909435
XLOC_000843	UAP1	chr1:162531295-162569633	193.578	211.406	0.127105	0.913628
XLOC_022113	STK3	chr8:99466858-99954799	5.57869	6.09253	0.127115	0.92313
XLOC_016978	C4orf46	chr4:159587830-159593201	4.58407	5.00643	0.127154	0.922312
XLOC_007955	PDXDC1	chr16:15068832-15131552	10.5263	11.4968	0.127238	0.906464
XLOC_016085	PARL	chr3:183547172-183602693	48.0058	52.4343	0.127302	0.901132
XLOC_008664	AP1G1	chr16:71762904-71842976	5.58429	6.09963	0.127348	0.907688
XLOC_019138	LRP11	chr6:150139893-150244214	5.55739	6.07045	0.127397	0.920505
XLOC_021739	RNF139	chr8:125487007-125551325	17.4913	19.1064	0.127418	0.953469
XLOC_002176	BATF3	chr1:212859758-212873327	25.085	27.4025	0.127483	0.924847
XLOC_011789	TMEM160	chr19:47549166-47551882	64.0129	69.9293	0.127535	0.929536
XLOC_020346	TTYH3	chr7:2671602-2704436	21.0964	23.0463	0.12754	0.907689
XLOC_003236	CD151	chr11:832951-838835	360.545	393.875	0.127555	0.907688
XLOC_016366	DKK	chr4:71859264-71896629	5.33572	5.82904	0.127576	0.924847
XLOC_010308	NPC1	chr18:21083433-21166581	10.5398	11.5144	0.127588	0.931471
XLOC_022975	ANKS6	chr9:101494290-101558794	8.96091	9.78958	0.127602	0.908114
XLOC_000971	TIMM17A	chr1:201924618-201939785	36.7365	40.1399	0.127821	0.904448
XLOC_013553	NAA20	chr20:19997933-20014273	83.092	90.7963	0.127923	0.905942
XLOC_017289	PRDM6	chr5:122424840-122523745	0.0698164	0.076292	0.127965	1
XLOC_009512	PMP22	chr17:15133095-15168644	28.581	31.2322	0.12798	0.908288
XLOC_005858	UFM1	chr13:38923941-38937143	14.4285	15.7675	0.128036	0.907688
XLOC_006763	EAPP	chr14:34985134-35008943	22.8747	24.9978	0.12805	0.906895
XLOC_023039	CDK5RAP2	chr9:123151146-123342448	4.54978	4.9721	0.128058	0.909435
XLOC_007515	RMDN3	chr15:41028085-41047458	15.0492	16.4462	0.128068	0.913628
XLOC_018365	PRIM2	chr6:57182421-57513376	8.73624	9.54789	0.12817	0.913628
XLOC_007340	KIAA1024	chr15:79724857-79764642	0.176562	0.192967	0.128181	1
XLOC_010447	ATP5D	chr19:1241748-1244824	365.637	399.613	0.128191	0.905695
XLOC_021340	KIAA1549	chr7:138516126-138666060	1.26808	1.38598	0.128259	0.923433
XLOC_022217	ZC3H3	chr8:144519824-144623620	17.6958	19.3412	0.128265	0.907657
XLOC_000462	RABGGTB	chr1:76251878-76260775	54.25	59.2946	0.128276	0.902703
XLOC_023001	PTPN3	chr9:112137973-112260593	5.78908	6.32748	0.128298	0.908114
XLOC_011941	MBOAT7	chr19:54677105-54693733	94.9769	103.811	0.128315	0.907651
XLOC_022132	SLC25A32	chr8:104410865-104455680	16.6778	18.2294	0.128341	0.966946
XLOC_012363	LIMS1	chr2:109150810-109303702	2.93372	3.20678	0.128396	0.926225
XLOC_017843	SIL1	chr5:138282409-138534065	39.3084	42.9673	0.128403	0.907435
XLOC_009470	TRAPPC1	chr17:7833662-7835317	144.344	157.784	0.128433	0.902309
XLOC_011617	POLR2I	chr19:36602104-36616849	88.3373	96.5631	0.12845	0.958814
XLOC_021190	ATP5J2,ATP5J2-PTCD1,PTI	chr7:99006600-99063824	722.26	789.519	0.128456	0.953738
XLOC_011424	AP1M2	chr19:10683346-10697991	3.34047	3.65168	0.128512	0.950929
XLOC_002893	HNRNPF	chr10:43881064-43904696	106.49	116.412	0.128518	0.905658

XLOC_007349	IL16	chr15:81489218-81616524	0.027004	0.0295203	0.128532	1
XLOC_003027	WAPAL	chr10:88195012-88281541	5.2009	5.68564	0.12856	0.908114
XLOC_018946	LMBRD1	chr6:70385640-70507049	8.8598	9.68673	0.128736	0.913628
XLOC_018873	C6orf132	chr6:42068856-421110715	3.6853	4.02939	0.128779	0.918898
XLOC_008447	C16orf88	chr16:19717673-19868859	5.89644	6.44748	0.128891	0.945946
XLOC_019062	MAN1A1	chr6:119498365-119670937	1.11193	1.21586	0.128911	0.944329
XLOC_016450	TET2	chr4:106067031-106200960	0.583902	0.638484	0.128924	0.945946
XLOC_018025	WRNIP1	chr6:2765665-2785979	33.9804	37.1571	0.128934	0.904734
XLOC_003433	MDK	chr11:46402333-46405387	615.23	672.793	0.129036	0.904223
XLOC_006807	TRIM9	chr14:51441980-51562422	0.00351405	0.00384287	0.129049	1
XLOC_013570	PYGB	chr20:25228705-25371618	19.2945	21.1003	0.129075	0.953384
XLOC_017972	MXD3	chr5:176730762-176739292	32.1327	35.1409	0.129109	0.965735
XLOC_014918	TRNT1	chr3:3168599-3190706	7.02241	7.68032	0.129201	0.917861
XLOC_023290	MBTPS2	chrX:21857655-21903541	2.31327	2.53007	0.129246	0.931471
XLOC_006818	CNIH	chr14:54893646-54908148	61.9513	67.7595	0.129289	0.901793
XLOC_004938	NXP4	chr12:57610577-57620232	31.3446	34.2872	0.129455	0.913628
XLOC_023075	MAPKAP1	chr9:128199672-128469513	65.9443	72.1376	0.129503	0.917325
XLOC_004684	USP5	chr12:6961284-6975795	29.9381	32.7503	0.129523	0.903682
XLOC_005420	ADCY6	chr12:49159974-49182820	6.42292	7.02628	0.129531	0.913236
XLOC_023658	FMR1	chrX:146990948-147032647	5.18493	5.67214	0.129569	0.913236
XLOC_018875	MRPS10	chr6:42174538-42185633	18.4585	20.1931	0.129577	0.906464
XLOC_013279	ORMDL1	chr2:190634992-190742355	21.796	23.8474	0.12977	0.921254
XLOC_012493	CERS6	chr2:169312758-169642935	3.15001	3.44652	0.129788	0.946765
XLOC_018447	RPF2	chr6:111303290-111346794	50.4195	55.1675	0.129838	0.902703
XLOC_008564	N4BP1	chr16:48572636-48644120	2.95562	3.23397	0.129847	0.918342
XLOC_015570	SEC13	chr3:10342614-10362858	72.988	79.863	0.129869	0.898567
XLOC_022728	ZDHHC21	chr9:14611068-14693480	0.852199	0.932472	0.12987	0.930633
XLOC_002225	MRPL55	chr1:228294379-228297013	64.3769	70.447	0.129996	0.917325
XLOC_011188	NAT14	chr19:55996556-55998935	1.97659	2.16301	0.130031	0.966946
XLOC_018987	RARS2	chr6:88224095-88299735	15.781	17.2703	0.130104	0.907657
XLOC_010766	PDCD2L	chr19:34895302-34917072	25.8521	28.2932	0.130172	0.914199
XLOC_021948	PPP2CB	chr8:30643125-30670352	39.3424	43.0585	0.130212	0.902188
XLOC_007950	BFAR	chr16:14726667-14763093	19.9541	21.8396	0.130264	0.902703
XLOC_007998	DCTN5	chr16:23652686-23685068	6.22761	6.81618	0.130286	0.902703
XLOC_005730	TAOK3	chr12:118587605-11881071	1.20263	1.3163	0.130292	0.945783
XLOC_011326	SH3GL1	chr19:4360363-4400565	67.9648	74.3947	0.130412	0.900578
XLOC_017697	GFM2	chr5:73980968-74072737	10.8915	11.9221	0.13044	0.986353
XLOC_015805	LRIG1	chr3:66119284-66550845	2.62729	2.87597	0.130475	0.977332
XLOC_015087	KLHL18	chr3:47205859-47388306	4.39503	4.81105	0.130479	0.927082
XLOC_008502	KCTD13	chr16:29917656-29937545	9.62485	10.5366	0.130575	0.930066
XLOC_021951	FUT10	chr8:33228343-33330664	2.85451	3.12493	0.130584	0.926258
XLOC_017778	SEMA6A	chr5:115779250-115910557	0.0498506	0.0545735	0.130587	1
XLOC_015474	EIF2B5	chr3:183852809-183863095	21.3144	23.3348	0.130657	0.898524
XLOC_017376	PCDHB8	chr5:140557370-140560087	1.41247	1.54641	0.130701	0.955758
XLOC_017479	NPM1	chr5:170814707-170837888	1377.59	1508.23	0.130711	0.919029
XLOC_016288	UBE2K	chr4:39699663-39784410	13.9141	15.2353	0.13087	0.898626
XLOC_004647	ADIPOR2	chr12:1800246-1897845	10.6875	11.7024	0.13088	0.902703
XLOC_004562	INT4	chr11:118401802-11843675	7.22162	7.90752	0.130902	0.925094
XLOC_020668	ZNHIT1	chr7:100849257-100867477	154.054	168.692	0.130957	0.942519
XLOC_019106	IFNGR1	chr6:137518620-137540567	7.51631	8.23188	0.131198	0.916105
XLOC_003443	SLC39A13	chr11:47430045-47438051	31.8701	34.9052	0.13124	0.902188
XLOC_008514	CD2BP2	chr16:30362086-30366682	33.12	36.2743	0.131245	0.897501
XLOC_014936	JAGN1	chr3:9932270-9936031	28.1793	30.8632	0.131256	0.904448
XLOC_018076	CDKAL1	chr6:20534687-21232634	2.74948	3.01139	0.131272	0.929478
XLOC_001636	SEP15	chr1:87328127-87380107	53.3945	58.4809	0.131273	0.898291
XLOC_010815	ZNF382	chr19:37096206-37119499	0.0708893	0.0776437	0.1313	1
XLOC_012966	TGFA	chr2:70674411-70781147	2.21788	2.42922	0.131313	0.927569
XLOC_012464	EPC2	chr2:149402559-149545136	2.5582	2.80207	0.131361	0.92377
XLOC_005274	M6PR	chr12:9067315-9102357	70.947	77.7105	0.131368	0.913236
XLOC_009119	CRHR1-IT1	chr17:43697709-43913194	3.93253	4.3075	0.131395	0.979316
XLOC_018802	TAP1	chr6:32808493-32821748	24.5741	26.9184	0.131455	0.962558
XLOC_021049	TBRG4	chr7:45139698-45151346	72.656	79.5884	0.131476	0.901326
XLOC_014438	UBE2L3	chr22:21899957-21978323	44.0734	48.2789	0.131486	0.895883
XLOC_009289	SAP30BP	chr17:73663398-73704139	24.6057	26.9537	0.131492	0.897933
XLOC_014676	HIRA	chr22:19318223-19419219	6.62854	7.26121	0.131519	0.912776
XLOC_007687	EDC3	chr15:74922898-74988386	9.80006	10.7357	0.131547	0.904096
XLOC_018557	MTHFD1L	chr6:151186814-151423023	31.288	34.2751	0.13155	0.937255
XLOC_021062	GRB10	chr7:50657759-50861159	7.75239	8.49271	0.131584	0.908308
XLOC_022010	ASPH	chr8:62200524-62627199	46.2224	50.6367	0.131591	0.907688
XLOC_012736	TRAF3IP1	chr2:239229184-239309547	1.7513	1.91864	0.131655	0.938657
XLOC_018867	TFEB	chr6:41651715-41703997	1.99472	2.18543	0.131735	0.954559
XLOC_013758	GTPBP5	chr20:60758080-60777810	5.73523	6.2837	0.131763	0.926423
XLOC_000881	PRRC2C	chr1:171454665-171562650	4.45799	4.88439	0.131786	0.900578
XLOC_016169	MAEA	chr4:1283671-1333925	22.7488	24.9271	0.131924	0.905942
XLOC_021719	UTP23	chr8:117778741-117786927	7.46278	8.17756	0.131957	0.90869
XLOC_020892	PRKAR1B	chr7:588833-826116	18.7658	20.5643	0.132038	0.953483
XLOC_010574	ICAM1	chr19:10381516-10397291	29.9468	32.819	0.132129	0.903682
XLOC_023556	ATG4A	chrX:107334898-107397907	2.13828	2.34348	0.132204	0.943082
XLOC_020991	SCRN1	chr7:29959718-30029905	0.0329099	0.0360682	0.132205	1

XLOC_002563	FAM35A	chr10:88854952-88951222	4.31528	4.72965	0.132281	0.916337
XLOC_004458	CHORDC1	chr11:89933596-89956532	9.15018	10.0289	0.132287	0.904734
XLOC_008768	GSG2	chr17:3617918-3704537	3.47071	3.8041	0.132325	0.96115
XLOC_016912	MAD2L1	chr4:120980578-12098801	49.1535	53.8751	0.132326	0.900463
XLOC_017153	CWC2	chr5:64064754-64314590	9.00555	9.87079	0.132352	0.909164
XLOC_002354	HSPA14	chr10:14880260-14913740	16.0526	17.5951	0.132367	0.906606
XLOC_018075	E2F3	chr6:20402136-20493945	3.98034	4.36288	0.132389	0.913984
XLOC_018267	KCTD20	chr6:36358328-36458315	5.5101	6.0398	0.132422	0.903682
XLOC_012726	COPS8	chr2:237994083-23800748	30.3058	33.2238	0.132623	0.893882
XLOC_018743	NRM	chr6:30655823-30659197	27.2336	29.8568	0.132671	0.912696
XLOC_003164	TIAL1	chr10:121332977-12135654	16.4462	18.0306	0.132688	0.897976
XLOC_017109	WDR70	chr5:37379411-37752774	8.58412	9.41151	0.132754	0.912689
XLOC_009363	RPH3AL	chr17:62179-202633	2.86102	3.13694	0.132829	0.945946
XLOC_011796	NAPA	chr19:47987538-48018515	45.5363	49.929	0.132859	0.895818
XLOC_007170	HAUS2	chr15:42841010-42862190	9.44793	10.3594	0.132872	0.900578
XLOC_017604	RAD1	chr5:34905365-34915780	4.76806	5.22812	0.13289	0.90486
XLOC_017221	ATG10	chr5:81267843-81551216	1.49799	1.64265	0.133002	0.946257
XLOC_015287	EAF2	chr3:121554033-12160537	2.35503	2.56076	0.133131	0.955952
XLOC_003767	PANX1	chr11:93862093-93915137	3.0228	3.31503	0.133135	0.930066
XLOC_009060	EIF1	chr17:39845126-39847898	773.286	848.061	0.133165	0.913628
XLOC_023019	FKBP15	chr9:115927799-11598364	24.8017	27.2012	0.133231	0.895217
XLOC_017095	SUB1	chr5:32585604-32604185	26.8352	29.4331	0.13331	0.894494
XLOC_001798	ANP32E	chr1:150190716-15020850	15.7098	17.2319	0.133415	0.899649
XLOC_000766	SYT11	chr1:155829259-15585499	0.0121323	0.0133079	0.133428	1
XLOC_016144	RNF168	chr3:196195656-19623063	5.2917	5.80459	0.133463	0.905942
XLOC_012752	SEPT2	chr2:242166681-24229344	42.2115	46.3048	0.133524	0.949303
XLOC_018293	TOMM6	chr6:41755180-41757634	134.329	147.356	0.133533	0.894057
XLOC_001425	ZBTB8OS	chr1:33087306-33116185	15.059	16.5201	0.133596	0.92313
XLOC_018364	BAG2	chr6:57037103-57050012	20.6615	22.6666	0.133621	0.900748
XLOC_018981	SYNCRIP	chr6:86317501-86353043	13.1502	14.4276	0.133745	0.918898
XLOC_000394	PRPF38A	chr1:52870218-52883992	13.656	14.9829	0.133776	0.898291
XLOC_015054	ABHD5	chr3:43732374-43764217	2.58886	2.84042	0.133788	0.918342
XLOC_017973	LMAN2	chr5:176758562-17677888	115.555	126.802	0.134002	0.895717
XLOC_013051	LMAN2L	chr2:97371666-97405813	6.96895	7.64747	0.134041	0.919541
XLOC_014003	PLTP	chr20:44517110-44541003	9.03192	9.91162	0.134088	0.98241
XLOC_001232	C1orf174	chr1:3805696-3816857	14.6694	16.0986	0.134129	0.908288
XLOC_002494	SUPV3L1	chr10:70939992-70968849	19.8787	21.8171	0.134239	0.896051
XLOC_023332	ATP6AP2	chrX:40440215-40465888	33.3659	36.6223	0.134351	0.895499
XLOC_016501	PLK4	chr4:128802015-12882037	4.71635	5.17671	0.134365	0.905695
XLOC_015565	EMC3	chr3:10006635-10028522	29.8247	32.7366	0.134394	0.905695
XLOC_002961	DNAJC12	chr10:69556426-69597937	30.2049	33.1541	0.134404	0.909694
XLOC_005656	PMCH	chr12:102513955-1025916	1.09067	1.19719	0.134439	0.988571
XLOC_016656	MRFAP1L1	chr4:6709428-6711606	34.4942	37.8658	0.13454	0.89272
XLOC_015763	NEK4	chr3:52744795-52804965	3.11139	3.41595	0.134728	0.921047
XLOC_022789	NOL6	chr9:33461350-33473941	9.11105	10.003	0.134741	0.895818
XLOC_007860	NDUFB10	chr16:2009516-2011976	115.042	126.307	0.134774	0.891486
XLOC_022865	CBWD6	chr9:69204537-69262593	3.31266	3.63724	0.134854	0.932231
XLOC_007734	EFTUD1	chr15:82422560-82555104	14.6412	16.0758	0.134855	0.890355
XLOC_007180	PDIA3	chr15:44038589-44094769	115.512	126.831	0.134871	0.948704
XLOC_012894	LRPPRC	chr2:44113362-44223144	27.7697	30.4916	0.134902	0.895818
XLOC_001958	COPA	chr1:160258376-16032874	19.9589	21.9153	0.134907	0.931471
XLOC_014745	XBP1	chr22:29190547-29196560	69.4773	76.2889	0.134933	0.906895
XLOC_012518	ZAK	chr2:173940564-17414676	5.32542	5.84786	0.135015	0.911245
XLOC_021715	ENY2	chr8:110346551-11035818	36.6914	40.2919	0.135046	0.893663
XLOC_005753	RHOF	chr12:122150657-1222315	106.14	116.564	0.135153	0.912308
XLOC_001298	RSG1	chr1:16558181-16563659	1.57041	1.72481	0.135302	0.961724
XLOC_017082	FAM105A	chr5:14581890-14616287	0.824352	0.905413	0.135315	0.932231
XLOC_023346	PHF16	chrX:46771735-46920641	2.32015	2.54832	0.135328	0.918619
XLOC_009607	C17orf75	chr17:30655459-30669228	2.07373	2.27767	0.13533	0.925867
XLOC_002493	VPS26A	chr10:70883907-70932616	22.2984	24.4915	0.135346	0.893663
XLOC_017935	SLU7	chr5:159828647-15984616	8.98265	9.86621	0.135355	0.898291
XLOC_009262	TTYH2	chr17:72209695-72258157	8.69852	9.55417	0.135361	0.907688
XLOC_010792	RBM42	chr19:36119979-36128587	64.4378	70.7789	0.135412	0.894319
XLOC_001482	PPT1	chr1:40538381-40563142	44.9177	49.3397	0.135466	0.886662
XLOC_005653	GNPTAB	chr12:102139274-1022246	2.50011	2.74626	0.135478	0.913628
XLOC_009453	DVL2	chr17:7128660-7137863	31.2042	34.2766	0.13548	0.890666
XLOC_010745	URI1	chr19:30414550-30507519	11.7251	12.8797	0.135498	0.897241
XLOC_012025	ACP1	chr2:264868-278282	58.5613	64.3313	0.135573	0.887902
XLOC_000251	TXLNA	chr1:32645344-32663886	21.4552	23.57	0.135623	0.891905
XLOC_012824	DNMT3A	chr2:25455829-25565459	1.35036	1.48346	0.135626	0.958902
XLOC_018102	HIST1H4E	chr6:26204872-26205249	5.16729	5.67664	0.135629	0.9727
XLOC_006978	HSP90AA1	chr14:102547074-1026060	291.575	320.383	0.135931	0.909694
XLOC_016836	KLHL8	chr4:88082213-88141674	1.28617	1.41328	0.135968	0.931471
XLOC_010425	BSG	chr19:571276-583493	637.395	700.44	0.136073	0.90233
XLOC_023343	ZNF674-AS1	chrX:46404924-46407910	1.93084	2.1219	0.136133	0.948088
XLOC_004159	AMBRA1	chr11:46417961-46615619	5.34486	5.8738	0.136142	0.909016
XLOC_002995	ANXA7	chr10:75135188-75173841	25.6985	28.2419	0.136153	0.894057
XLOC_009225	TACO1	chr17:61678230-61685725	16.9339	18.6099	0.136162	0.907657
XLOC_007841	CHTF18	chr16:838621-850733	14.9241	16.4013	0.136166	0.903682

XLOC_004797	BICD1	chr12:32260184-32531141	0.332839	0.365805	0.13625	0.965573
XLOC_022964	CTSL2	chr9:99791958-99801925	2.38576	2.62212	0.136284	0.917453
XLOC_018595	FGFR10P	chr6:167412815-167454066	6.6152	7.27068	0.136304	0.917379
XLOC_011555	ATP13A1	chr19:19756009-19774503	21.6049	23.7467	0.136367	0.888528
XLOC_003505	FAM111B	chr11:58874657-58894888	1.34919	1.48299	0.136421	0.937403
XLOC_000340	IPO13	chr1:44412477-44433694	5.75035	6.32084	0.136467	0.908114
XLOC_005743	COQ5	chr12:120941081-12096696	15.4566	16.9908	0.136526	0.903932
XLOC_022645	WDR5	chr9:137001209-137025094	41.3446	45.4493	0.136558	0.889242
XLOC_020914	TNRC18	chr7:5346422-5463177	6.89105	7.57535	0.136589	0.893663
XLOC_022997	TMEM245	chr9:111777414-111882225	5.92806	6.51676	0.136596	0.889644
XLOC_023818	CASK	chrX:41374188-41782287	1.45544	1.59999	0.136613	0.917208
XLOC_001622	GNG5	chr1:84944919-84972262	285.688	314.068	0.136641	0.918342
XLOC_020472	PPIA	chr7:44836240-44842716	621.868	683.67	0.136691	0.909056
XLOC_010863	MAP3K10	chr19:40697650-40721482	9.6026	10.557	0.136699	0.912776
XLOC_016663	ABLIM2	chr4:7967036-8160559	0.414437	0.455633	0.136719	0.967901
XLOC_002587	RPP30	chr10:92631708-92668312	6.58883	7.24393	0.13675	0.921164
XLOC_007549	ELL3	chr15:44038589-44094769	1.56948	1.72557	0.136788	0.994798
XLOC_016038	KPNA4	chr3:160212782-160283376	8.32846	9.15677	0.136789	0.898626
XLOC_014849	PHF5A	chr22:41855720-41864708	65.2252	71.7152	0.136849	0.894319
XLOC_016928	PGRMC2	chr4:129190391-129209984	18.2277	20.0418	0.136878	0.889643
XLOC_018441	SMPD2	chr6:109711417-109765122	9.68867	10.6531	0.136898	0.924203
XLOC_023928	ERCC6L	chrX:71401525-71483814	1.77749	1.95446	0.136925	0.960071
XLOC_017508	ZNF346	chr5:176449696-176493745	3.14832	3.46218	0.137098	0.925191
XLOC_005655	NUP37	chr12:102467972-10251236	31.4811	34.6244	0.137304	0.894299
XLOC_021880	LONRF1	chr8:12579405-12612992	3.58106	3.93865	0.137313	0.918342
XLOC_000759	FDPS	chr1:155278538-155300905	67.2378	73.9577	0.137428	0.92844
XLOC_004104	SPTY2D1	chr11:18621350-18656020	2.8837	3.17192	0.137434	0.908114
XLOC_004332	FIBP	chr11:65647283-65656010	96.5839	106.239	0.137461	0.888528
XLOC_020569	HSPB1	chr7:75931874-75933614	864.308	950.727	0.137486	0.894057
XLOC_009464	FXR2	chr17:7494547-7536700	41.1448	45.261	0.137556	0.94735
XLOC_017329	TXNDC15	chr5:134209459-134237322	7.77707	8.55513	0.137564	0.902188
XLOC_008614	FAM96B	chr16:66965957-66968326	171.216	188.346	0.137565	0.886391
XLOC_023589	SLC25A5	chrX:118599995-118605351	480.629	528.722	0.137586	0.898291
XLOC_007305	CSK	chr15:75074424-75095539	68.6329	75.5009	0.137593	0.88893
XLOC_000576	STRIP1	chr1:110574198-110597262	6.90432	7.59522	0.137593	0.907874
XLOC_018458	DSE	chr6:116601282-116759442	2.91361	3.20543	0.137713	0.913628
XLOC_003106	NPM3	chr10:103541081-10354317	162.249	178.502	0.137773	0.886887
XLOC_004536	USP28	chr11:113668596-11374621	4.82902	5.31289	0.137769	0.903932
XLOC_012971	TEX261	chr2:71213067-71222001	28.1258	30.9446	0.137795	0.887925
XLOC_003216	PSMD13	chr11:236807-252984	114.292	125.754	0.137881	0.889644
XLOC_017168	OCLN	chr5:68788118-68853931	5.16275	5.6806	0.137903	0.896464
XLOC_007851	TELO2	chr16:1543351-1662109	26.8446	29.5373	0.137904	0.918972
XLOC_007283	SENPB	chr15:72118360-72433311	1.11933	1.23162	0.13793	0.971625
XLOC_009943	SLC39A11	chr17:70642084-71088853	4.89839	5.39001	0.137982	0.917325
XLOC_019029	CD164	chr6:109687716-109703762	40.8271	44.9258	0.138018	0.89239
XLOC_011382	CD320	chr19:8367010-8373240	271.542	298.819	0.138093	0.896051
XLOC_022035	NCOA2	chr8:71024266-71316020	0.28625	0.315005	0.138097	1
XLOC_013220	CERS6-AS1	chr2:169312758-169642935	5.95053	6.54841	0.138127	0.950929
XLOC_013123	C2orf76	chr2:120060019-120124258	1.29197	1.42188	0.138232	0.965735
XLOC_012346	SLC9A2	chr2:103236165-103327805	0.152623	0.167977	0.138295	1
XLOC_019077	EPB41L2	chr6:131160487-131384462	14.0029	15.4122	0.138344	0.888528
XLOC_009042	THRA	chr17:38218445-38256978	9.09141	10.0068	0.138408	0.95534
XLOC_022523	C9orf91	chr9:117373705-117408702	8.82079	9.70971	0.13852	0.900578
XLOC_005034	METAP2	chr12:95867821-95909613	25.3189	27.8707	0.138537	0.885624
XLOC_023851	PRAF2	chrX:48928817-48931662	2.62726	2.89229	0.138652	0.955758
XLOC_020836	CUL1	chr7:148395932-148498202	21.2426	23.3869	0.138741	0.885254
XLOC_017893	PDGFRB	chr5:149493401-149535422	0.0168542	0.0185557	0.138759	1
XLOC_005043	TMPO	chr12:98906750-98944157	26.1204	28.7577	0.13877	0.891486
XLOC_003543	SDHAF2	chr11:61197596-61214239	31.9366	35.1615	0.138786	0.896032
XLOC_004144	COMMD9	chr11:36293841-36310999	6.27006	6.90403	0.138959	0.90608
XLOC_007883	TBC1D24	chr16:2525146-2555734	3.05155	3.36016	0.138991	0.912308
XLOC_001525	MKNK1	chr1:47004367-47069966	8.08528	8.90315	0.139019	0.905886
XLOC_016719	APBB2	chr4:40812043-41216635	0.989511	1.0897	0.139139	0.930066
XLOC_005801	MPHOSPH8	chr13:20207787-20247599	9.21129	10.1441	0.139168	0.892192
XLOC_003710	PPME1	chr11:73882107-73965748	41.382	45.5729	0.139171	0.882523
XLOC_019199	PHF10	chr6:170102256-170124106	19.936	21.9553	0.13919	0.938286
XLOC_012241	CCT7	chr2:73461363-73480150	316.864	348.967	0.139226	0.895818
XLOC_021249	LOC100216545	chr7:104650988-104654588	1.89241	2.08415	0.139233	0.938194
XLOC_002208	LBR	chr1:225589203-225616557	10.7592	11.8498	0.139287	0.886684
XLOC_012527	HOXD9	chr2:176987412-176989645	9.7946	10.7875	0.139307	0.920432
XLOC_020787	ADCK2	chr7:140372952-140394908	44.4658	48.9742	0.139327	0.887791
XLOC_011843	IRF3	chr19:50162825-50177173	61.6115	67.8634	0.139434	0.92969
XLOC_012233	NAGK	chr2:71295407-71305998	13.5633	14.9398	0.139452	0.907688
XLOC_018638	SLC35B3	chr6:8413300-8435794	7.13519	7.85933	0.139456	0.911915
XLOC_011590	PEPD	chr19:33877854-34012799	39.6326	43.657	0.139528	0.887791
XLOC_009052	KRTAP4-9	chr17:39261640-39262740	0.810712	0.893052	0.139554	0.976756
XLOC_000667	HIST2H2AC	chr1:149858524-149858961	4.47409	4.9286	0.139585	0.974044
XLOC_005328	PLBD1	chr12:14656596-14720791	16.0577	17.6894	0.139621	0.892962
XLOC_006902	C14orf1	chr14:76117232-76127538	33.6641	37.0857	0.139654	0.890666

XLOC_001905	SMG5	chr1:156219014-156252620	17.5861	19.3746	0.139729	0.884666
XLOC_007502	MEIS2	chr15:37183221-37393500	2.46056	2.71092	0.139795	0.930616
XLOC_020520	CRCP	chr7:65579804-65619553	11.4975	12.6673	0.139798	0.896051
XLOC_001857	S100A16	chr1:153579366-153585514	794.819	875.704	0.139817	0.895499
XLOC_012350	MRPS9	chr2:105654482-105716418	31.4975	34.706	0.139946	0.888975
XLOC_017348	SNORA74A	chr5:138609440-138667366	0.965185	1.06359	0.140062	0.987693
XLOC_007937	NUBP1	chr16:10837697-10912621	15.9158	17.5408	0.140256	0.907689
XLOC_000518	ABCD3	chr1:94883932-94984219	9.28623	10.2347	0.140304	0.912776
XLOC_014197	RRP1B	chr21:45079431-45115960	14.2228	15.6768	0.140422	0.881073
XLOC_011008	RUVBL2	chr19:49497155-49519182	215.865	237.956	0.140561	0.885618
XLOC_010744	CCNE1	chr19:30302900-30315215	13.0815	14.4206	0.140598	0.904264
XLOC_000116	EFHD2	chr1:15736390-15756839	49.8779	54.9838	0.140606	0.881988
XLOC_013703	NCOA3	chr20:46130600-46285621	1.14326	1.26033	0.140648	0.918898
XLOC_012770	AD1	chr2:3501689-3523350	21.6882	23.9093	0.140667	0.890466
XLOC_014491	KREMEN1	chr22:29469065-29564321	2.63576	2.90573	0.140681	0.909435
XLOC_006734	CHMP4A	chr14:24678786-24683036	34.6584	38.2084	0.140686	0.886481
XLOC_000780	BCAN	chr1:156611739-156629324	3.10418	3.42239	0.140794	0.927627
XLOC_009188	AKAP1	chr17:55162552-55198710	12.2026	13.4544	0.140899	0.885624
XLOC_018039	RIOK1	chr6:7390061-7418270	12.2208	13.4758	0.141038	0.898751
XLOC_000731	SNAPIN	chr1:153631129-153643504	36.8368	40.6201	0.141044	0.983393
XLOC_009782	EFTUD2	chr17:42923720-42976993	34.4084	37.9428	0.141065	0.88211
XLOC_000612	ATP1A1	chr1:116915794-116961244	77.8208	85.8151	0.141075	0.886459
XLOC_008621	FHOD1	chr16:67263291-67281425	8.98803	9.9136	0.141404	0.900578
XLOC_019006	FAXC	chr6:99720792-99797531	0.500068	0.551636	0.141591	0.931473
XLOC_005534	PRIM1	chr12:57125363-57146146	13.1702	14.5289	0.141641	0.899478
XLOC_022084	TMEM64	chr8:91634222-91658133	6.29345	6.94293	0.141695	0.893315
XLOC_003148	C10orf82	chr10:118423206-11842948	0.0977653	0.107858	0.141744	1
XLOC_001431	AK2	chr1:33473540-33502512	69.9371	77.1654	0.141895	0.890622
XLOC_017679	SGTB	chr5:64920557-65017941	2.38211	2.62839	0.141942	0.948088
XLOC_000763	MSTO1	chr1:155579960-155584758	7.82423	8.63375	0.142038	0.907689
XLOC_016202	MRFAP1	chr4:6641817-6644470	136.967	151.143	0.142087	0.883279
XLOC_004066	TMEM41B	chr11:9302200-9336315	24.7802	27.345	0.142092	0.90731
XLOC_010552	ANGPTL4	chr19:8429010-8439257	94.6801	104.486	0.142179	0.88621
XLOC_002073	GLT2SD2	chr1:183904965-184006886	0.518134	0.571804	0.142196	0.952371
XLOC_022993	KLF4	chr9:110247132-110252047	5.84655	6.45231	0.14223	0.917379
XLOC_000303	CAP1	chr1:40506254-40538321	75.1066	82.8888	0.142236	0.882845
XLOC_002139	RBBP5	chr1:205055269-205091150	3.13335	3.45809	0.142269	0.910376
XLOC_003062	ALDH18A1	chr10:97365685-97416567	41.2362	45.5104	0.142285	0.877554
XLOC_001267	MAD2L2	chr1:11734536-11751678	128.909	142.275	0.142332	0.876336
XLOC_006441	ZNF410	chr14:74353317-74398991	17.3155	19.1112	0.142356	0.882592
XLOC_014053	CTSZ	chr20:57570241-57582309	84.0632	92.7826	0.142379	0.881688
XLOC_015766	SFMBT1	chr3:52937582-53080089	2.46648	2.72242	0.142436	0.915557
XLOC_003633	SART1	chr11:65729159-65747607	25.0711	27.6735	0.142478	0.877493
XLOC_017103	DNAJC21	chr5:34929697-34959069	3.19171	3.52302	0.142484	0.891397
XLOC_000140	ARHGEF10L	chr1:17866329-18024370	5.20724	5.74807	0.14256	0.910156
XLOC_004637	THYN1	chr11:134118172-13412328	56.7398	62.6352	0.142613	0.882404
XLOC_006963	SNHG10	chr14:9599248-96001209	5.47888	6.04891	0.142795	0.938194
XLOC_007920	HMOX2	chr16:4511694-4560348	33.2862	36.7511	0.142861	0.934345
XLOC_005265	SLC2A3	chr12:8071823-8088892	13.9721	15.427	0.142903	0.890622
XLOC_002731	TACC2	chr10:123748688-12401408	7.78563	8.59632	0.142904	0.895818
XLOC_012750	PPP1R7	chr2:242089901-242122438	57.8418	63.8647	0.142908	0.875892
XLOC_016810	PAQR3	chr4:79839093-79860582	4.50373	4.97272	0.142915	0.902309
XLOC_017682	CCDC125	chr5:68576518-68616410	1.80038	1.988	0.143015	0.924009
XLOC_005436	MCRS1	chr12:49952085-49961911	31.8225	35.139	0.143023	0.882107
XLOC_000782	PRCC	chr1:156737273-156770608	22.8756	25.2597	0.143028	0.885624
XLOC_014769	PES1	chr22:30972611-31003000	78.3601	86.5291	0.143066	0.877363
XLOC_009478	AURKB	chr17:8108048-8113944	93.1057	102.812	0.143074	0.877493
XLOC_014515	DRG1	chr22:31795538-31830172	56.9906	62.9323	0.143076	0.87753
XLOC_000063	PARK7	chr1:8021713-8045342	311.214	343.686	0.143182	0.875679
XLOC_015406	MBNL1	chr3:151980404-152183568	6.20704	6.85481	0.143212	0.886459
XLOC_018660	MBOAT1	chr6:20099915-20212695	1.42923	1.57843	0.14326	0.931355
XLOC_022036	TRAM1	chr8:71485452-71520694	42.2089	46.6185	0.143355	0.87753
XLOC_006187	UGGT2	chr13:96453835-96705736	2.14684	2.3713	0.143466	0.908432
XLOC_018990	RNGTT	chr6:89319988-89673348	2.90028	3.2037	0.143547	0.906892
XLOC_000824	NDUFS2	chr1:161169104-161184184	53.7847	59.4185	0.143714	0.876899
XLOC_018651	RANBP9	chr6:13621729-13711796	10.5124	11.6135	0.143715	0.878923
XLOC_002693	SHOC2	chr10:112679300-11277342	4.60054	5.08271	0.143793	0.898751
XLOC_013438	ILKAP	chr2:239079042-239112324	31.8772	35.2189	0.143825	0.885254
XLOC_018958	MB21D1	chr6:74134855-74162043	4.01591	4.43698	0.143854	0.931733
XLOC_006406	GPHN	chr14:66974124-67648525	5.38996	5.95529	0.143896	0.893663
XLOC_006656	SIVA1	chr14:105219469-10522598	151.389	167.274	0.143951	0.875485
XLOC_003093	SNORA12	chr10:101992054-10202743	39.2407	43.3581	0.143953	0.879701
XLOC_021994	LYPLA1	chr8:54958937-55014577	33.9957	37.5635	0.143979	0.877387
XLOC_000315	KCNQ4	chr1:41249683-41306124	5.22499	5.77344	0.144001	0.908288
XLOC_015134	ALAS1	chr3:5223098-52248343	28.7785	31.7992	0.144003	0.877493
XLOC_002810	SFTA1P	chr10:10826401-10836877	392.868	434.114	0.144028	0.881688
XLOC_010525	TRIP10	chr19:6739706-6751529	40.355	44.6003	0.144308	0.872554
XLOC_004842	LARP4	chr12:50794591-50873788	2.7391	3.02726	0.14431	0.908709
XLOC_021530	ELP3	chr8:27950583-28048669	10.2956	11.3791	0.144359	0.880508

XLOC_001206	SSU2	chr1:1477052-1510262	144.082	159.245	0.144362	0.877459
XLOC_008353	ZNF598	chr16:2047652-2059822	40.7181	45.0034	0.144366	0.877263
XLOC_001355	FUCA1	chr1:24171571-24194859	7.53123	8.32416	0.144419	0.907651
XLOC_013535	SNRPB2	chr20:16710608-16722417	41.5786	45.9576	0.144462	0.874106
XLOC_010380	FECH	chr18:55212072-55253969	1.97463	2.18271	0.144544	0.906892
XLOC_008836	CYB5D1	chr17:7760002-7765600	4.64607	5.13577	0.144569	0.950929
XLOC_006431	PSEN1	chr14:73603142-73690399	6.52955	7.2179	0.144595	0.876899
XLOC_002417	CSGALNACT2	chr10:43633892-43680754	4.24322	4.69056	0.144603	0.898193
XLOC_002135	PPP1R15B	chr1:204372491-204380944	8.56983	9.4738	0.144676	0.879514
XLOC_011299	LMNB2	chr19:2428162-2456966	42.6603	47.1608	0.144694	0.871957
XLOC_016647	TMEM128	chr4:4237268-4249934	12.8097	14.1615	0.144746	0.893751
XLOC_011924	ZNF702P	chr19:53471503-53496784	1.51335	1.67311	0.144793	0.93105
XLOC_008212	DDX19A	chr16:70380823-70407281	11.4332	12.6403	0.1448	0.885624
XLOC_017495	SFXN1	chr5:174905513-17495562	13.0029	14.3759	0.14481	0.884256
XLOC_012985	BOLA3	chr2:74362527-74375039	79.9656	88.4144	0.144902	0.890689
XLOC_010622	NACC1	chr19:13229101-13251961	31.3152	34.6252	0.144959	0.874082
XLOC_005777	SCARB1	chr12:125262173-1253485	56.925	62.9458	0.145049	0.873862
XLOC_009893	BRIP1	chr17:59756546-59940920	1.66549	1.84183	0.145192	0.905658
XLOC_002967	SLC25A16	chr10:70242089-70287280	2.52855	2.79633	0.145225	0.931355
XLOC_009328	ENDOV	chr17:78234659-78411884	8.7604	9.68827	0.145243	0.972584
XLOC_004542	BUD13	chr11:116618885-1166437	12.7877	14.1422	0.145248	0.893751
XLOC_013533	NDUFAF5	chr20:13765671-13799067	5.54916	6.13709	0.145285	0.909435
XLOC_010878	HNRNPUL1	chr19:41768390-41813811	58.8736	65.1117	0.145297	0.873414
XLOC_003389	DEPDC7	chr11:33037409-33055128	1.53403	1.69665	0.145357	0.950929
XLOC_009371	YWHAE	chr17:1247833-1303556	341.417	377.612	0.145368	0.880115
XLOC_002465	CISD1	chr10:60028861-60049019	11.5979	12.8278	0.145408	0.887208
XLOC_021184	TECPR1	chr7:97844754-97881563	4.58977	5.07673	0.145477	0.895717
XLOC_012217	APLF	chr2:68694690-68807294	0.295149	0.326464	0.145481	1
XLOC_008199	CIRH1A	chr16:69166498-69202937	34.5639	38.2325	0.145534	0.877493
XLOC_013022	IMMT	chr2:86371054-86422893	38.8349	42.9569	0.145537	0.874709
XLOC_001656	TMED5	chr1:93615298-93646246	6.99061	7.73302	0.145613	0.875558
XLOC_020778	TRIM24	chr7:138145078-13827033	3.94071	4.35922	0.145613	0.902188
XLOC_006138	ATP7B	chr13:52506805-52585630	1.10551	1.22296	0.145675	0.930616
XLOC_009404	SHPK,TRPV1	chr17:3468739-3539616	4.82638	5.33953	0.145773	0.913825
XLOC_010581	ILF3	chr19:10764936-10803095	60.1195	66.5116	0.145775	0.877497
XLOC_009447	SLC16A11	chr17:6944948-6947242	0.252409	0.279271	0.145901	1
XLOC_000296	AKR1N1	chr1:39456915-39471737	18.298	20.2458	0.145936	0.871523
XLOC_004799	DNM1L	chr12:32832136-32898584	10.6531	11.7873	0.145957	0.877493
XLOC_021604	CHD7	chr8:61591323-61780586	1.67684	1.85544	0.146013	0.893663
XLOC_020870	GALNT11	chr7:151722777-15181942	12.6215	13.9668	0.146122	0.879021
XLOC_012301	TEKT4	chr2:95534429-95613087	0.561292	0.621123	0.146127	0.977103
XLOC_012933	FAM161A	chr2:62051982-62081278	0.99499	1.10108	0.146166	0.937399
XLOC_014941	FANCD2	chr3:10068112-10149915	2.51364	2.78183	0.146256	0.905983
XLOC_006941	LGMN	chr14:93170151-93215047	28.9924	32.0861	0.146271	0.875988
XLOC_010833	PSMD8	chr19:38865189-38874464	290.01	320.962	0.146301	0.876927
XLOC_005529	ATP5B	chr12:57031958-57039852	451.134	499.315	0.146394	0.881849
XLOC_004882	HOXC9	chr12:54393876-54397120	1.10776	1.22607	0.146398	0.962215
XLOC_018652	CCDC90A	chr6:13786780-13814792	5.09589	5.64016	0.146401	0.883756
XLOC_017648	MOCS2	chr5:52393894-52405598	16.7828	18.5755	0.146419	0.887208
XLOC_004349	SPTBN2	chr11:66452719-66488870	12.146	13.4437	0.146444	0.872117
XLOC_005925	TDRD3	chr13:60970590-61148013	4.32053	4.78264	0.146598	0.904734
XLOC_001223	MMEL1	chr1:2517898-2564481	2.91524	3.22731	0.146717	0.977841
XLOC_000591	RAP1A	chr1:112162404-11225610	19.8946	22.025	0.146771	0.877459
XLOC_002399	PTCHD3P1	chr10:29698500-29711299	5.50412	6.09396	0.146868	0.910156
XLOC_022140	NUDCD1	chr8:110253147-11034635	20.1128	22.2688	0.146905	0.865198
XLOC_015398	SELT	chr3:150321065-15034823	23.1102	25.5887	0.14698	0.868024
XLOC_000145	MRT04	chr1:19578074-19586622	44.8787	49.6922	0.146989	0.874491
XLOC_018576	TMEM181	chr6:158957467-159056467	4.2581	4.71499	0.147045	0.889643
XLOC_018401	SMIM8	chr6:87992696-88052043	1.92736	2.13419	0.147067	0.931816
XLOC_002604	SLC35G1	chr10:95653729-95662491	2.10562	2.3318	0.147199	0.92969
XLOC_001317	EMC1	chr1:19542157-19578053	5.29428	5.86354	0.147337	0.876899
XLOC_005769	MPHOSPH9	chr12:123640945-12370644	1.43181	1.58581	0.147376	0.925683
XLOC_007977	LOC81691	chr16:20775311-20860990	5.82187	6.44809	0.147388	0.937542
XLOC_011383	NDUFA7	chr19:8376183-8386280	155.905	172.676	0.147408	0.877363
XLOC_010001	TK1	chr17:76170159-76183285	119.989	132.906	0.147506	0.873788
XLOC_008933	TMEM199	chr17:26684686-26689089	7.91151	8.76346	0.147548	0.909694
XLOC_003161	SFXN4	chr10:120900424-1209252	45.7238	50.648	0.147556	0.872554
XLOC_020396	MALSU1	chr7:23338939-23349180	59.9831	66.444	0.147584	0.877764
XLOC_015675	CCDC12	chr3:46963230-47051194	37.2687	41.2835	0.1476	0.934628
XLOC_007329	DNAJA4	chr15:78556486-78574538	5.64836	6.25693	0.147622	0.89937
XLOC_023369	RBM3	chrX:48432740-48439553	64.4716	71.4255	0.147776	0.877764
XLOC_021544	MAK16	chr8:33342684-33370703	8.05767	8.92684	0.147787	0.913628
XLOC_008498	SLC7A5P1	chr16:29624423-29625038	0.526757	0.583611	0.14787	0.990213
XLOC_012662	DNAJB2	chr2:220144039-220151622	35.2694	39.0768	0.147893	0.877493
XLOC_012983	TPRKB	chr2:73956956-73964517	47.525	52.6556	0.147901	0.880162
XLOC_000228	ATPIF1	chr1:28562601-28564616	269.529	298.629	0.147917	0.879301
XLOC_006988	C1orf2	chr14:104378624-1043879	356.941	395.483	0.147932	0.868469
XLOC_009639	MYO19	chr17:34842472-348491305	13.3422	14.7829	0.147933	0.950929
XLOC_000845	HSD17B7	chr1:162760495-16278260	7.54969	8.36497	0.147942	0.913019

XLOC_021651	CHMP4C	chr8:82644687-82671748	48.2358	53.4455	0.147963	0.87753
XLOC_003620	EHPB1L1	chr11:65343508-65360116	9.07359	10.0541	0.148038	0.877497
XLOC_011818	BCAT2	chr19:49298318-49314320	89.1502	98.7872	0.148087	0.876899
XLOC_023587	PGRMC1	chrX:118370210-118378421	93.3643	103.46	0.148134	0.869885
XLOC_003705	RELT	chr11:73087404-73108519	11.3397	12.5661	0.148146	0.885254
XLOC_001369	PAQR7	chr1:26187974-26197744	17.4732	19.3637	0.148212	0.875776
XLOC_022859	AQP7P1	chr9:67270214-67289492	0.0200888	0.0222624	0.14822	1
XLOC_003726	ACER3	chr11:76571916-76734850	1.1846	1.31282	0.148262	0.928138
XLOC_003531	CCDC86	chr11:60609428-60623444	42.2514	46.8282	0.148379	0.875964
XLOC_019042	FYN	chr6:111981534-112194651	7.0261	7.78737	0.148411	0.887208
XLOC_005090	MVK	chr12:110011499-11003507	13.9546	15.4681	0.148554	0.895818
XLOC_003410	TTC17	chr11:43380434-43516483	8.17847	9.06567	0.148582	0.870709
XLOC_000915	XPR1	chr1:180601145-180859411	1.94087	2.15146	0.148616	0.892038
XLOC_010092	TYMS	chr18:596997-712662	21.3758	23.697	0.148723	0.966946
XLOC_010764	KIAA0355	chr19:34745455-34846471	1.17607	1.30384	0.148794	0.920028
XLOC_004617	SRPR	chr11:126081618-12613887	19.9058	22.0685	0.148795	0.89967
XLOC_002359	PTER	chr10:16478941-16564004	4.9832	5.52468	0.148818	0.89937
XLOC_013359	AAMP	chr2:219128851-219134891	125.536	139.178	0.148837	0.874082
XLOC_008429	PARN	chr16:14529556-14724128	9.7872	10.851	0.148861	0.878642
XLOC_001201	AURKAIP1	chr1:1309109-1310818	232.865	258.178	0.148868	0.865173
XLOC_017392	RNF14	chr5:141346401-141369851	4.78452	5.30484	0.148932	0.883938
XLOC_021912	TNFRSF10A	chr8:23048969-23082680	5.77196	6.40037	0.149093	0.912776
XLOC_004134	CSTF3	chr11:33106129-33183037	15.9578	17.6952	0.149099	0.949739
XLOC_011312	PIP5K1C	chr19:3630178-3700477	8.08534	8.96582	0.149127	0.887208
XLOC_012445	MGAT5	chr2:135011829-135212192	3.79233	4.20555	0.149209	0.874082
XLOC_023773	RBBP7	chrX:16862774-16888534	42.922	47.6002	0.149251	0.867317
XLOC_002689	DUSP5	chr10:112257624-11227131	101.248	112.289	0.149324	0.883754
XLOC_003957	MOB2	chr11:1490684-1785501	25.2981	28.0579	0.149378	0.981586
XLOC_004432	NARS2	chr11:78147006-78285909	6.61212	7.33388	0.149465	0.898397
XLOC_014813	ANKRD54	chr22:38226861-38240378	13.5	14.9747	0.149566	0.892016
XLOC_015083	PTH1R	chr3:46919235-46945289	6.03874	6.69897	0.149691	0.917325
XLOC_022267	SLC1A1	chr9:4490426-4587469	1.88489	2.09104	0.14974	0.919939
XLOC_002199	AIDA	chr1:222841354-222885864	21.4976	23.8491	0.149762	0.868024
XLOC_004305	SF1	chr11:64532075-64546316	78.21	86.7655	0.149768	0.871957
XLOC_020885	UBE3C	chr7:156931654-157062061	17.3376	19.2344	0.149784	0.863993
XLOC_015949	PIK3R4	chr3:130397777-130465691	2.53045	2.80742	0.149852	0.898626
XLOC_005807	MIPEPP3	chr13:21872263-22033508	0.514691	0.57104	0.149884	0.994615
XLOC_001889	SCAMP3	chr1:155225769-155232171	51.1734	56.7765	0.1499	0.869458
XLOC_012577	C2orf47	chr2:200793633-200828847	17.2849	19.1777	0.149917	0.916969
XLOC_018828	TAF11	chr6:34845554-34855848	16.0821	17.8443	0.150004	0.884233
XLOC_009205	CLTC	chr17:57697049-57774317	22.3479	24.7972	0.150033	0.868519
XLOC_002699	TCF7L2	chr10:114710008-11492747	3.75989	4.17198	0.150045	0.904096
XLOC_012014	UBE2M	chr19:59067078-59070343	130.938	145.296	0.150107	0.865882
XLOC_010521	CLPP	chr19:6361462-6368915	188.666	209.368	0.150207	0.867266
XLOC_001758	FAM72D	chr1:143896451-143913143	1.26924	1.40865	0.150347	0.945067
XLOC_016388	FAM47E,FAM47E-STBD1,S'	chr4:77135192-77232283	9.24694	10.2628	0.150377	0.882983
XLOC_004631	SNX9	chr11:130745765-13078631	1.9467	2.16057	0.150388	0.90612
XLOC_018765	ABHD16A	chr6:31654725-31671137	26.2131	29.0959	0.150529	0.875369
XLOC_021853	SGK223	chr8:8175257-8239257	2.36856	2.62922	0.150624	0.918898
XLOC_014788	LARGE	chr22:33669061-34316416	3.7013	4.10869	0.150647	0.901132
XLOC_003069	TM9SF3	chr10:98277866-98346809	24.183	26.8451	0.150668	0.868757
XLOC_008370	TCEB2	chr16:2821414-2827297	485.415	538.857	0.150685	0.885624
XLOC_007506	SRP14	chr15:40327890-40331389	215.343	239.064	0.15076	0.869168
XLOC_021063	COBL	chr7:51083908-51384515	3.44774	3.82787	0.150891	0.890466
XLOC_016514	ELMOD2	chr4:141445311-141474924	2.79453	3.1027	0.150922	0.89261
XLOC_006184	ABCC4	chr13:95672082-95953687	3.41501	3.79163	0.150932	0.880645
XLOC_006865	RDH11	chr14:68143518-68162510	18.946	21.0368	0.151022	0.869078
XLOC_004798	FGD4	chr12:32655040-32798984	0.0844394	0.0937605	0.151064	1
XLOC_003693	RNF121	chr11:71639767-71708643	9.70061	10.7716	0.15109	0.886368
XLOC_005248	ZNF384	chr12:6775642-6798738	15.3319	17.0248	0.151104	0.87432
XLOC_021402	ABCF2	chr7:150904922-150924317	45.4244	50.4403	0.15111	0.868833
XLOC_017292	PHAX	chr5:125936606-125962944	5.94656	6.60345	0.151165	0.87867
XLOC_011485	GIPC1	chr19:14588570-14606961	132.196	146.812	0.151296	0.8725
XLOC_021227	PLOD3	chr7:100849257-100867477	46.3501	51.4751	0.151303	0.942878
XLOC_021669	OTUD6B	chr8:92082423-92099323	3.89372	4.32451	0.151389	0.898291
XLOC_014082	GMEB2	chr20:62218954-62258381	6.54014	7.26393	0.151429	0.886142
XLOC_016903	ARSJ	chr4:114821439-114900871	2.03242	2.2574	0.151466	0.909489
XLOC_010453	NDUFS7	chr19:1383882-1395588	159.273	176.907	0.151484	0.869168
XLOC_014670	PRODH	chr22:18900286-18924066	1.06018	1.17764	0.151588	0.956373
XLOC_006201	TMT4C	chr13:101256089-10132711	3.84972	4.27649	0.151675	0.902309
XLOC_015482	EIF4G1	chr3:184032282-184053148	36.637	40.699	0.151694	0.865626
XLOC_008745	RNMTL1	chr17:662548-695741	26.1926	29.0977	0.151745	0.939292
XLOC_001991	ALDH9A1	chr1:165631448-165667901	32.6344	36.2551	0.151792	0.865626
XLOC_017982	LOC202181	chr5:177045500-177099271	0.615473	0.683818	0.151917	0.950929
XLOC_007668	MYO9A	chr15:72118360-72433311	0.209762	0.233066	0.151987	1
XLOC_013305	PPIL3	chr2:201735678-201753841	13.7699	15.3	0.152019	0.885624
XLOC_005379	PKP2	chr12:32943679-33049780	3.19296	3.5478	0.15203	0.896073
XLOC_023083	TOR2A	chr9:130478357-130497621	42.9093	47.6829	0.152179	0.874631
XLOC_023051	NDUFA8	chr9:124906337-124922091	146.182	162.445	0.152185	0.858127

XLOC_020342	EIF3B	chr7:2394473-2420377	72.7211	80.8129	0.152212	0.863571
XLOC_004307	MEN1	chr11:64570985-64578766	32.7131	36.3545	0.152266	0.865806
XLOC_020933	ICA1	chr7:8152814-8302242	3.17399	3.52759	0.152387	0.917553
XLOC_017123	MRPS30	chr5:44809026-44815618	39.3655	43.7549	0.152512	0.860257
XLOC_010791	HAUS5	chr19:36103645-36116251	5.99709	6.66592	0.152539	0.882845
XLOC_023717	DKC1	chrX:153991030-15400596	38.9828	43.333	0.152627	0.869283
XLOC_003014	POLR3A	chr10:79734906-79789298	4.81907	5.35775	0.152872	0.869283
XLOC_022037	LACTB2	chr8:71520811-71581447	16.0935	17.893	0.152917	0.872961
XLOC_004262	MTA2	chr11:62360674-62369312	36.1531	40.1982	0.153011	0.857414
XLOC_020615	DYNC111	chr7:95401817-95727736	0.13235	0.147161	0.153036	1
XLOC_016077	DNAJC19	chr3:180701497-180707562	13.0347	14.4937	0.153073	0.881618
XLOC_014727	ADORA2A-AS1	chr22:24823529-24890783	0.062942	0.0699885	0.153095	1
XLOC_011276	C19orf25	chr19:1450147-1479228	33.7993	37.5834	0.153101	0.876899
XLOC_011685	ADCK4	chr19:41197433-41222790	20.0168	22.2584	0.153138	0.869458
XLOC_023488	COX7B	chrX:77154960-77160881	320.489	356.383	0.153157	0.856223
XLOC_017640	C5orf28	chr5:43444353-43483992	2.91431	3.24097	0.153275	0.910156
XLOC_003728	CAPN5	chr11:76777991-76837198	5.64479	6.2777	0.153314	0.883985
XLOC_024109	MAP7D3	chrX:135295378-13533864	4.75791	5.29147	0.153339	0.874417
XLOC_004373	MRPL21	chr11:68658745-68671303	98.8661	109.953	0.153342	0.863016
XLOC_021379	TPK1	chr7:144149033-144533144	0.571277	0.635377	0.153424	0.95534
XLOC_004153	SYT13	chr11:45261852-45307884	0.00985601	0.0109622	0.153455	1
XLOC_017657	CCNO	chr5:54526980-54529508	16.9079	18.8061	0.153501	0.912696
XLOC_010471	THOP1	chr19:2785505-2813599	64.8513	72.135	0.153565	0.854415
XLOC_017154	PPWD1	chr5:64859062-64883376	8.80268	9.79252	0.153738	0.879301
XLOC_001109	KIAA1804	chr1:233463513-23352089	2.61933	2.91389	0.153749	0.892742
XLOC_013316	ICA1L	chr2:203637872-20373637	0.408181	0.454139	0.153926	0.938123
XLOC_017421	HMGXB3	chr5:149372685-14943270	15.25	16.9674	0.153953	0.863016
XLOC_008672	CLEC18B	chr16:74442528-74455368	0.136717	0.15213	0.154112	1
XLOC_008013	IL4R	chr16:27325229-27376099	7.04127	7.83536	0.154166	0.876899
XLOC_022736	HAUS6	chr9:19053134-19102940	4.66671	5.19305	0.154178	0.865541
XLOC_009596	BLMH	chr17:28575212-28619184	14.7685	16.435	0.154225	0.865856
XLOC_007606	SLTM	chr15:59171243-59225852	7.0967	7.89752	0.154252	0.869193
XLOC_012804	TTC32	chr2:20096513-20101744	2.98816	3.32546	0.154297	0.949812
XLOC_013035	E1F2AK3	chr2:88856258-88927094	1.92504	2.14241	0.154347	0.906895
XLOC_010994	GRWD1	chr19:48949029-48957164	32.6599	36.3495	0.154412	0.85843
XLOC_002101	KIF21B	chr1:200938513-20099282	0.0920007	0.102398	0.154472	1
XLOC_017358	SLC35A4	chr5:139944419-13994868	25.8847	28.8113	0.154534	0.859569
XLOC_021594	TGS1	chr8:56651319-56738005	7.58499	8.44277	0.15457	0.935939
XLOC_001967	TSTD1	chr1:161007421-16100877	91.2677	101.595	0.154655	0.871759
XLOC_010798	PSENIEN	chr19:36236493-36237903	82.67	92.0341	0.154804	0.86583
XLOC_005490	NPFF	chr12:53900473-53901422	1.6799	1.8702	0.154819	0.969963
XLOC_023848	KCND1	chrX:48818638-48828251	0.380512	0.423628	0.154857	0.956807
XLOC_008676	FA2H	chr16:74746855-74808729	2.69079	2.99579	0.154903	0.929478
XLOC_006953	SERPINA1	chr14:94843083-94857029	0.0849203	0.0945485	0.154946	1
XLOC_011534	LSM4	chr19:18417039-18434001	147.176	163.868	0.154997	0.852163
XLOC_012686	FBXO36	chr2:230787206-23087782	0.569242	0.633838	0.155072	0.952905
XLOC_007362	WHAMM	chr15:83477972-83503613	4.99966	5.56714	0.155106	0.880739
XLOC_005167	SETD8	chr12:123868703-1238939	18.733	20.8597	0.15514	0.861084
XLOC_004939	SHMT2	chr12:57623355-57634475	262.219	292.013	0.155264	0.877263
XLOC_001311	RCC2	chr1:17733250-17766250	23.0478	25.6668	0.155276	0.856463
XLOC_001413	FABP3	chr1:31838099-31845923	0.0609498	0.0678758	0.155276	1
XLOC_009915	POLG2	chr17:62473901-62493184	5.06725	5.64311	0.15529	0.912689
XLOC_008191	PLA2G15	chr16:68279246-68294961	11.1509	12.4191	0.155396	0.874709
XLOC_017909	ATOX1	chr5:151122382-15113821	110.84	123.447	0.15541	0.864476
XLOC_023021	RNF183	chr9:116059372-11606132	0.0606363	0.0675335	0.155421	1
XLOC_023467	ACRC	chrX:70430034-70948962	0.200514	0.223329	0.155466	1
XLOC_016701	SEL1L3	chr4:25749048-25864610	9.9531	11.0858	0.155501	0.859262
XLOC_007328	IDH3A	chr15:78441718-78462884	14.0876	15.691	0.155516	0.860963
XLOC_012415	TSN	chr2:122513120-12252542	20.0656	22.3497	0.155535	0.8552
XLOC_016448	NFKB1	chr4:103422485-10353845	7.00997	7.80853	0.155643	0.872117
XLOC_012860	MEMO1	chr2:32092893-32235698	25.5508	28.466	0.155875	0.858966
XLOC_013812	FKBP1A,SDCBP2	chr20:1290554-1373816	126.01	140.391	0.155917	0.859648
XLOC_006894	KIAA0317	chr14:75127954-75179807	4.94773	5.51272	0.155996	0.872117
XLOC_007914	NAA60	chr16:3493667-3536963	21.4182	23.8663	0.156139	0.861111
XLOC_001614	PIGK	chr1:77554666-77685132	3.21473	3.58236	0.156214	0.880481
XLOC_003612	FRMD8	chr11:65154040-65180995	10.8677	12.1109	0.156265	0.871957
XLOC_005046	APAF1	chr12:99039077-10037843	1.42585	1.58903	0.156323	0.939371
XLOC_008629	GFOD2	chr16:67708435-67753273	14.9086	16.6157	0.1564	0.908586
XLOC_017874	YIPF5	chr5:143537722-14355027	6.8781	7.66601	0.156466	0.873144
XLOC_004156	PEX16	chr11:45931219-45939674	24.2608	27.042	0.156579	0.872554
XLOC_015082	TMIE	chr3:46742822-46752413	0.280026	0.312133	0.156601	1
XLOC_015293	DTX3L	chr3:122246759-12229404	1.66792	1.85925	0.156669	0.927422
XLOC_005560	PPM1H	chr12:63037762-63328665	1.42755	1.59136	0.156723	0.907794
XLOC_010700	SSBP4	chr19:18530145-18549111	62.2626	69.4117	0.156813	0.873715
XLOC_006686	TMEM55B	chr14:20926011-20929637	28.6733	31.9669	0.156871	0.855981
XLOC_014489	CCDC117	chr22:29168661-29185283	4.24098	4.72842	0.156962	0.879021
XLOC_022614	EXOSC2	chr9:133569157-13358045	30.368	33.8592	0.156996	0.858563
XLOC_020989	LOC646762,ZNRFP2P2	chr7:29685537-29727859	1.99905	2.22895	0.15705	0.909164
XLOC_019120	HIVEP2	chr6:143072603-14326633	2.01173	2.2431	0.157054	0.874155

XLOC_012789	PDIA6	chr2:10861774-10952960	137.943	153.813	0.157105	0.860257
XLOC_010249	ZNF407	chr18:72342918-72777628	0.736345	0.821061	0.157108	0.917379
XLOC_015589	MRPS25	chr3:14984285-15106816	11.6801	13.0249	0.157218	0.923894
XLOC_017814	SAR1B	chr5:133936838-13396853	3.14011	3.50178	0.157272	0.870173
XLOC_003371	GAS2	chr11:22688159-22834547	0.0605706	0.0675516	0.157371	1
XLOC_006644	TRMT61A	chr14:103995508-1040034	13.8468	15.4432	0.157422	0.865541
XLOC_002970	AIFM2	chr10:71812356-71892690	20.6629	23.0453	0.157426	0.903682
XLOC_015681	SMARCC1	chr3:47627377-47823405	18.0538	20.1364	0.157502	0.851389
XLOC_021488	INTS10	chr8:19674917-19709586	24.0522	26.8268	0.157503	0.852163
XLOC_017466	RARS	chr5:167913462-16794630	32.8986	36.6961	0.157601	0.850947
XLOC_001968	USF1	chr1:161009040-16101576	20.7936	23.195	0.157675	0.858913
XLOC_015626	UBP1	chr3:33429828-33481897	15.6633	17.4738	0.157806	0.851541
XLOC_017917	GEMIN5	chr5:154266975-15431777	5.10306	5.69305	0.15784	0.868833
XLOC_012160	PPM1B	chr2:44395999-44461742	8.38814	9.35823	0.157883	0.906895
XLOC_024011	PSMD10	chrX:107327434-10733487	27.6954	30.8992	0.157921	0.850768
XLOC_001426	SYNC	chr1:33116748-33168361	26.9087	30.0229	0.157988	0.912308
XLOC_017671	ERCC8	chr5:60169658-6024905	3.26206	3.63963	0.158007	0.906464
XLOC_022794	DCAF12	chr9:34086380-34126771	9.63792	10.7535	0.158008	0.857265
XLOC_005110	PTPN11	chr12:112856535-1129477	9.7286	10.8548	0.158027	0.849892
XLOC_005240	MRPL51	chr12:6601315-6602471	208.377	232.51	0.158099	0.847596
XLOC_009284	TSEN54	chr17:73512608-73520820	30.7125	34.2714	0.158181	0.8561
XLOC_011584	ANKRD27	chr19:33087906-33166102	6.63458	7.40374	0.158247	0.868469
XLOC_007336	MORF4L1	chr15:79165122-79190081	72.4857	80.8904	0.158272	0.851569
XLOC_005036	SNRPF	chr12:96252708-96260238	136.264	152.074	0.158369	0.850878
XLOC_000286	THRAP3	chr1:36690016-36770957	24.4654	27.3057	0.158461	0.845125
XLOC_022600	FAM73B	chr9:131799252-13183435	18.3568	20.488	0.158469	0.851892
XLOC_009114	HEXIM1	chr17:43224683-43229468	13.1592	14.6875	0.158513	0.855981
XLOC_018621	TUBB2A	chr6:3153901-3157783	12.7293	14.2081	0.15856	0.889644
XLOC_021803	PPP1R16A	chr8:145722108-14572750	34.7028	38.7352	0.158595	0.855674
XLOC_017330	PCBD2	chr5:134240809-13429833	2.78426	3.10817	0.158774	0.917687
XLOC_001313	ALDH4A1	chr1:19197923-19229293	14.0697	15.7071	0.158816	0.863467
XLOC_016983	NAF1	chr4:164047859-16408807	8.20563	9.16056	0.158822	0.880115
XLOC_002352	PRPF18	chr10:13628938-13672868	10.0719	11.2442	0.158832	0.87753
XLOC_017343	KDM3B	chr5:137688284-13777271	7.23342	8.07549	0.158872	0.851868
XLOC_017500	SIMC1	chr5:175665369-17577299	9.12402	10.1869	0.158975	0.882523
XLOC_023592	NDUFA1	chrX:119004494-11901062	275.295	307.368	0.15899	0.891486
XLOC_012729	LRRFIP1	chr2:238536223-23869029	10.5962	11.831	0.159023	0.865626
XLOC_017662	SLC38A9	chr5:54921672-55008163	4.22876	4.72158	0.159035	0.895818
XLOC_018082	MRS2	chr6:24403152-24425816	7.68755	8.5836	0.159059	0.859648
XLOC_009520	CENPV	chr17:16245847-16256812	62.1256	69.3673	0.159067	0.847835
XLOC_010780	LSR	chr19:35739558-35758867	51.6089	57.6272	0.159133	0.850128
XLOC_005152	PSMD9	chr12:122326636-12235577	31.8539	35.5756	0.159415	0.8501
XLOC_013468	DTYMK	chr2:242615156-24262638	72.8822	81.3997	0.159456	0.854482
XLOC_022445	PTPDC1	chr9:96793075-96872138	1.78105	1.98931	0.159542	0.906892
XLOC_008433	RRN3	chr16:15153878-15188158	13.0652	14.5942	0.159661	0.851868
XLOC_014440	SDF2L1	chr22:21996541-21998588	81.8562	91.4439	0.159794	0.866932
XLOC_020578	RSBN1L	chr7:77313167-77409120	2.55135	2.85021	0.15981	0.929155
XLOC_012184	SPTBN1	chr2:54683453-54898583	8.92892	9.97492	0.159819	0.845755
XLOC_014372	SUMO3	chr21:46225531-46238044	31.8495	35.5843	0.159969	0.8501
XLOC_024118	ATP11C	chrX:138808504-13891444	1.78642	1.99592	0.159981	0.884394
XLOC_010462	CSNK1G2	chr19:1941160-1981336	35.1788	39.3043	0.159983	0.851637
XLOC_007745	LOC283693	chr15:83394649-83408532	0.043029	0.0480763	0.160017	1
XLOC_010401	TMX3	chr18:66340924-66382353	4.62725	5.17008	0.160033	0.858563
XLOC_006458	TLLL5	chr14:76127550-76421425	2.43936	2.72557	0.160056	0.887209
XLOC_016667	SLC2A9	chr4:9827847-10041872	0.0452372	0.0505482	0.160149	1
XLOC_010047	MFG	chr17:79876144-79885587	9.34181	10.439	0.16021	0.851868
XLOC_005879	KIAA1704	chr13:45563686-45602404	2.50084	2.79469	0.160273	0.928069
XLOC_003497	CTNND1, TMX2	chr11:57479994-57586652	60.7883	67.934	0.160341	0.950929
XLOC_012508	GORASP2	chr2:171784947-17182364	33.3565	37.2781	0.160359	0.846243
XLOC_006404	FUT8	chr14:65877309-66210839	2.18256	2.43919	0.160382	0.898291
XLOC_014493	EWSR1	chr22:29663997-29696515	101.988	113.983	0.160418	0.854482
XLOC_007624	CSNK1G1	chr15:64457715-64648442	1.88324	2.1048	0.160464	0.874155
XLOC_021569	AGPAT6	chr8:41435706-41482520	15.3676	17.1762	0.160526	0.846441
XLOC_021027	PSMA2	chr7:42956461-42971805	93.321	104.308	0.160576	0.848508
XLOC_013128	CLASP1	chr2:122095351-12240705	3.00421	3.35794	0.160588	0.868469
XLOC_018659	DEK	chr6:18224399-18264799	43.8706	49.0369	0.160614	0.845971
XLOC_021547	ZNF703	chr8:37553300-37556396	5.39106	6.0261	0.160655	0.93165
XLOC_006095	VWA8	chr13:42140960-42535221	1.8561	2.07477	0.160673	0.928653
XLOC_021993	TCEA1	chr8:54879115-54935008	48.5831	54.3071	0.160687	0.856008
XLOC_000043	TP73	chr1:3569128-3663937	3.80344	4.25189	0.160799	0.882107
XLOC_003090	ERLIN1	chr10:101909846-1019458	16.4676	18.4093	0.160803	0.8501
XLOC_022227	PUF60	chr8:144898513-14491155	210.961	235.842	0.160845	0.847187
XLOC_009166	RSAD1	chr17:48556189-48563336	28.9903	32.4114	0.160932	0.845726
XLOC_004654	RHNO1	chr12:2945981-2998691	7.8344	8.75893	0.160933	0.977332
XLOC_005820	NUPL1	chr13:25875665-25916561	10.7409	12.0091	0.16101	0.845974
XLOC_013048	SNRNP200	chr2:96940073-96971307	26.0674	29.147	0.161101	0.845726
XLOC_004338	YIF1A	chr11:66052050-66056638	72.8336	81.4458	0.161237	0.845974
XLOC_013830	SLC4A11	chr20:3208062-3219887	10.7987	12.0757	0.161242	0.869885
XLOC_012667	TMEM198	chr2:220408744-22041531	2.56045	2.86323	0.161247	0.935062

XLOC_022166	TMEM65	chr8:125323158-12538494	4.88204	5.45943	0.161266	0.86815
XLOC_011341	LONP1	chr19:5691844-5720463	98.7987	110.494	0.16141	0.851868
XLOC_009973	H3F3B	chr17:73772514-73775860	188.763	211.117	0.16147	0.854482
XLOC_021109	ABHD11	chr7:73150424-73153190	17.8905	20.0097	0.161501	0.880739
XLOC_016074	MRPL47	chr3:179306254-17932243	35.7	39.931	0.161587	0.844123
XLOC_014194	PKNOX1	chr21:44394642-44453688	2.04075	2.28275	0.161678	0.893663
XLOC_012596	FAM117B	chr2:203499900-20363448	1.34403	1.50355	0.161802	0.906464
XLOC_012932	XPO1	chr2:61705068-61765418	26.1633	29.2689	0.161827	0.848382
XLOC_004857	C12orf44	chr12:52463757-52471279	66.741	74.6758	0.162068	0.845268
XLOC_022244	TONSL	chr8:145654162-14566981	25.1397	28.1288	0.162077	0.846271
XLOC_020769	TMEM140	chr7:134832765-13485557	0.506859	0.567126	0.162084	0.991767
XLOC_003674	IGHMBP2	chr11:68671318-68708069	6.06381	6.78482	0.162086	0.877459
XLOC_012400	DDX18	chr2:118572254-11858995	14.3165	16.0198	0.162173	0.845726
XLOC_001638	GTF2B	chr1:89318320-89357301	16.5486	18.5177	0.162199	0.861232
XLOC_002287	ZNF669	chr1:247263263-24726767	1.93464	2.16486	0.162213	0.92969
XLOC_009964	HN1	chr17:73131343-73150775	129.652	145.085	0.162256	0.84584
XLOC_004618	FLJ39051	chr11:126173646-1262254	1.86671	2.11139	0.162324	0.991767
XLOC_006522	PAPOLA	chr14:96968712-97033453	24.0425	26.9058	0.16233	0.842695
XLOC_018988	AKIRIN2	chr6:88384577-88411985	17.8929	20.0243	0.162365	0.863873
XLOC_022609	GPR107	chr9:132815984-13290244	15.1692	16.977	0.162436	0.842158
XLOC_022552	LOC100129034	chr9:127115743-12717775	17.4224	19.4996	0.162506	0.95395
XLOC_008803	C17orf49,RNASEK	chr17:6915735-6922973	398.763	446.309	0.162512	0.859892
XLOC_015650	HIGD1A	chr3:42824399-42846027	14.7591	16.5194	0.162551	0.845971
XLOC_015799	THOC7	chr3:63805040-63849597	35.6116	39.8613	0.162642	0.84841
XLOC_013632	AAR2	chr20:34824338-34844863	17.4605	19.5461	0.16279	0.845125
XLOC_006652	KIF26A	chr14:104605059-1046472	2.69615	3.01836	0.162867	0.89761
XLOC_012535	AGPS	chr2:178257470-17840856	3.50161	3.92018	0.162901	0.850795
XLOC_004213	SLC43A1	chr11:57252003-57283192	25.8066	28.8935	0.163001	0.84775
XLOC_001694	PSMA5	chr1:109941652-10996910	28.7733	32.215	0.163002	0.848508
XLOC_018278	ZFAND3	chr6:37787306-38122399	20.4638	22.9133	0.163112	0.848915
XLOC_009342	SLC25A10	chr17:79679265-79688046	71.5368	80.1005	0.163126	0.839607
XLOC_010245	TIMM21	chr18:71815745-71826204	15.0488	16.8517	0.163244	0.8586
XLOC_020900	TMEM184A	chr7:1570367-1596066	4.29416	4.80872	0.163277	0.920694
XLOC_005706	TMEM116	chr12:112369086-1124510	4.38174	4.90699	0.163333	0.907929
XLOC_013989	MATN4	chr20:43922086-43946464	0.0537452	0.0601891	0.163366	1
XLOC_016936	NDUFC1	chr4:140211070-14031193	191.399	214.36	0.163455	0.906892
XLOC_012071	UBXN2A	chr2:24163375-24223693	4.66612	5.22598	0.163477	0.894976
XLOC_013979	SERINC3	chr20:43124863-43150726	17.4304	19.5236	0.163608	0.846426
XLOC_010166	RNF138	chr18:29671817-29711524	7.4774	8.37596	0.163718	0.855212
XLOC_001900	ARHGFE2	chr1:155916629-15594833	47.535	53.2475	0.163723	0.890644
XLOC_014678	UFD1L	chr22:19437463-19466738	27.6745	31.0023	0.163817	0.846441
XLOC_001034	LINC00467	chr1:211556096-21160587	7.68701	8.61145	0.163833	0.915999
XLOC_009578	NARR,RAB34	chr17:27041298-27045286	0.0814666	0.0912712	0.163951	1
XLOC_001346	HNRNPR	chr1:23636275-23670853	45.7328	51.2435	0.164142	0.851389
XLOC_006037	CENPJ	chr13:25456411-25497027	1.20272	1.3478	0.164312	0.902309
XLOC_020894	COX19	chr7:1004485-1015235	4.08127	4.57361	0.164315	0.869671
XLOC_013786	LIME1	chr20:62367977-62370460	6.86003	7.68772	0.164341	0.924336
XLOC_014950	ATG7	chr3:11314009-11762220	4.73619	5.30767	0.16435	0.934459
XLOC_005083	INSC	chr12:108956293-1089631	53.8875	60.3937	0.164449	0.844167
XLOC_022483	RNF20	chr9:104296132-10432562	6.00773	6.73317	0.164466	0.851892
XLOC_016502	C4orf29	chr4:128838959-12895245	0.692119	0.775729	0.164534	0.976214
XLOC_014242	BTG3	chr21:18965967-18985268	25.3155	28.3748	0.164589	0.845726
XLOC_011651	HNRNPL	chr19:39327027-39342979	179.662	201.391	0.16471	0.845125
XLOC_012571	COQ10B	chr2:198318230-19833985	17.795	19.9475	0.16474	0.849026
XLOC_011778	PPP5D1	chr19:46984044-47104457	0.147473	0.165324	0.164841	1
XLOC_012780	MBOAT2	chr2:8996700-9143876	4.68652	5.25413	0.164935	0.869283
XLOC_005805	SAP18	chr13:21714652-21723224	40.9254	45.8827	0.164953	0.834859
XLOC_020481	UPP1	chr7:48128354-48148330	533.306	597.907	0.164958	0.847835
XLOC_014582	RBX1	chr22:41347350-41369019	67.0653	75.1904	0.164982	0.83481
XLOC_000077	APITD1,APITD1-CORT,COF	chr1:10490158-10512060	9.8674	11.0632	0.165029	0.893663
XLOC_008903	TVP23B	chr17:18684581-18710026	7.45652	8.36024	0.165041	0.876899
XLOC_008674	RFWD3	chr16:74655296-74700779	7.81332	8.76042	0.165065	0.842475
XLOC_020744	TPI1P2	chr7:128695276-12869729	0.166657	0.186862	0.165096	1
XLOC_006448	FCF1	chr14:75179849-75203390	10.3957	11.6567	0.165176	0.856667
XLOC_001908	CCT3	chr1:156278751-15631678	294.423	330.145	0.165209	0.849166
XLOC_002801	ANKRD16	chr10:5903688-5979558	11.58	12.9851	0.165225	0.970195
XLOC_009510	COX10-AS1	chr17:13932608-14111996	1.03494	1.16052	0.165236	0.980533
XLOC_009201	GDPD1	chr17:57297827-57353330	2.96753	3.3278	0.165303	0.913628
XLOC_010639	TECR	chr19:14640354-14676792	116.145	130.255	0.16541	0.838906
XLOC_011033	SCAF1	chr19:50145381-50161906	15.9219	17.8576	0.165526	0.849892
XLOC_008310	POLR3K	chr16:96978-103632	32.9455	36.9516	0.165554	0.85843
XLOC_000259	TSSK3	chr1:32827861-32829924	1.11247	1.24775	0.165563	0.955406
XLOC_006850	SGPP1	chr14:64150934-64194756	5.08051	5.69901	0.165738	0.868469
XLOC_006334	CTAGE5	chr14:39734475-39820397	4.88751	5.48259	0.165758	0.869746
XLOC_007310	PPCDC	chr15:75315926-75343067	5.82898	6.53907	0.165842	0.868729
XLOC_022710	KIAA0020	chr9:2804154-2844130	13.6292	15.2904	0.165925	0.845608
XLOC_021151	SRI	chr7:87834431-87856308	68.2651	76.5871	0.165953	0.871194
XLOC_012467	LYPD6	chr2:150186498-15033065	0.889358	0.997784	0.165964	0.918342
XLOC_007172	TMEM62	chr15:43425721-43477341	8.51469	9.55312	0.166018	0.85843

XLOC_000993	SNRPE	chr1:203830739-203840281	61.7237	69.2514	0.166019	0.832722
XLOC_006209	TEX30	chr13:103418462-10342614	0.19372	0.217357	0.166088	1
XLOC_008602	GOT2	chr16:58741034-58768246	79.3838	89.0735	0.166152	0.835721
XLOC_017102	BRIX1	chr5:34915819-34925787	31.8596	35.7503	0.166229	0.845125
XLOC_008073	ITGAM	chr16:31271287-31344213	0.0159537	0.0179023	0.16625	1
XLOC_015566	LOC401052	chr3:10048101-10052779	1.60157	1.7972	0.166263	0.936729
XLOC_008411	USP7	chr16:8985950-9057341	15.5578	17.4586	0.166294	0.83481
XLOC_006433	C14orf169	chr14:73945188-74025651	11.7844	13.2242	0.166297	0.877493
XLOC_001860	ILF2	chr1:153631129-153643504	135.296	151.827	0.166306	0.849166
XLOC_023138	SLC2A6	chr9:136336215-136344274	17.5619	19.709	0.166403	0.850947
XLOC_019053	ZUFSP	chr6:116956780-116989973	5.299	5.94684	0.166404	0.874082
XLOC_004661	RAD51AP1	chr12:4647949-4669213	5.12219	5.74854	0.166436	0.874417
XLOC_003868	OAF	chr11:120081746-12010065	47.431	53.2331	0.166495	0.832266
XLOC_008550	UBE2MP1	chr16:34403801-34404762	3.14324	3.52784	0.166531	0.941348
XLOC_015963	ANAPC13	chr3:134196545-134293855	30.9761	34.7665	0.166544	0.86583
XLOC_015157	PDE12	chr3:57541980-57547768	8.43425	9.46638	0.166553	0.844829
XLOC_004500	CASP4	chr11:104813593-10483933	126.282	141.737	0.166565	0.844123
XLOC_010482	NFIC	chr19:3359560-3469215	8.75941	9.83194	0.166642	0.841208
XLOC_006423	TTC9	chr14:71108503-71142077	0.618466	0.694222	0.166704	0.927627
XLOC_012631	XRCC5	chr2:216974019-217071011	73.9211	82.9785	0.166751	0.839867
XLOC_004921	PA2G4	chr12:56498102-56507694	114.602	128.646	0.16677	0.840255
XLOC_003496	ZDHHC5	chr11:57435473-57468659	17.6055	19.764	0.166853	0.830321
XLOC_020917	ACTB	chr7:5566778-5570232	1885.56	2116.8	0.166892	0.869408
XLOC_023852	WDR45	chrX:48932091-48958059	36.3961	40.8598	0.1669	0.841842
XLOC_014517	DEPDC5	chr22:32149936-32303020	1.35973	1.52661	0.167014	0.903682
XLOC_003086	SLC25A28	chr10:101370274-10138022	17.9417	20.1452	0.167119	0.860562
XLOC_005966	UBAC2	chr13:99848627-100058554	19.7792	22.2084	0.167124	0.843155
XLOC_002815	UPF2	chr10:11962020-12085169	4.75913	5.34386	0.167186	0.845969
XLOC_020627	ARPC1B	chr7:98972297-99006305	146.684	164.719	0.167298	0.938396
XLOC_000309	ZFP69	chr1:40943301-40962015	1.68413	1.89129	0.167366	0.91945
XLOC_001892	RUSC1-AS1	chr1:155278538-155300905	10.4219	11.7044	0.167432	0.98468
XLOC_017323	UBE2B	chr5:133706869-133727795	20.8174	23.3806	0.167521	0.838994
XLOC_008171	E2F4	chr16:67226067-67232821	51.4043	57.7339	0.167529	0.830384
XLOC_009761	ETV4	chr17:41605210-41623800	66.3658	74.5395	0.167567	0.832581
XLOC_018694	HIST1H2BJ	chr6:27100094-27100575	2.28095	2.56191	0.167581	0.966946
XLOC_015423	IQCJ,IQCJ-SCHIP1,SCHIP1	chr3:158787040-159615155	6.68008	7.50302	0.167606	0.885828
XLOC_012538	DFNB59	chr2:179059207-179672151	0.631231	0.709025	0.167669	0.99351
XLOC_011839	PIH1D1	chr19:49949549-49955115	93.0133	104.484	0.167779	0.833863
XLOC_010852	TIMM50	chr19:39971051-39981528	50.9587	57.247	0.16787	0.832174
XLOC_003341	FAR1	chr11:13690205-13753893	6.16609	6.92715	0.167906	0.838416
XLOC_004058	ST5	chr11:8714898-8932498	1.48655	1.6701	0.167968	0.923433
XLOC_018559	C6orf211	chr6:151773421-151791233	4.80854	5.40264	0.168065	0.872554
XLOC_000232	RCC1	chr1:28832454-28865708	105.703	118.777	0.168235	0.836072
XLOC_020986	JAZF1	chr7:27870192-28280996	2.09909	2.35875	0.168259	0.903682
XLOC_008823	EIF4A1,SENP3	chr17:7465308-7482324	802.614	901.912	0.168282	0.856449
XLOC_006290	DHRS4L1	chr14:24505709-24520580	0.17349	0.194958	0.16831	1
XLOC_010630	NANOS3	chr19:13988062-13991571	2.6727	3.00372	0.168451	0.952469
XLOC_017836	CDC23	chr5:137514416-137549032	7.50178	8.43155	0.168566	0.913628
XLOC_018679	HIST1H1C	chr6:26055967-26056699	119.266	134.051	0.168596	0.836132
XLOC_009459	GPS2	chr17:7215977-7218658	38.1999	42.9372	0.168659	0.835511
XLOC_001353	GALE	chr1:24122088-24127294	83.9088	94.3153	0.168671	0.832722
XLOC_015858	KIAA1524	chr3:108268717-108413693	2.00217	2.25049	0.168673	0.923433
XLOC_012647	PLCD4	chr2:219472487-219501905	0.364118	0.409278	0.168675	0.954768
XLOC_014591	C22orf46	chr22:42086546-42094140	1.44751	1.62709	0.168722	0.88444
XLOC_022902	C9orf64	chr9:86553226-86571663	9.03831	10.1597	0.168727	0.862722
XLOC_007473	TJP1	chr15:2992356-30114706	4.9289	5.54103	0.168886	0.830662
XLOC_010903	ZNF575	chr19:44037339-44040284	0.841028	0.945478	0.16889	0.965515
XLOC_008578	CRNDE	chr16:54952776-54963101	19.4225	21.8347	0.168895	0.881073
XLOC_008283	ZC3H18	chr16:88636788-88698372	8.23441	9.25713	0.168899	0.852163
XLOC_011332	C19orf10	chr19:4657556-4670415	146.208	164.375	0.168965	0.830184
XLOC_022096	FSBP,RAD54B	chr8:95384187-95487343	4.02915	4.52989	0.169002	0.873144
XLOC_004635	IGSF9B	chr11:133785184-13382688	0.127452	0.143297	0.169052	1
XLOC_021670	LRRC69	chr8:92114846-92231464	0.136493	0.153466	0.169095	1
XLOC_023114	TOR1A	chr9:132575220-132586444	37.5043	42.1682	0.169098	0.827026
XLOC_022221	PYCR1	chr8:144686082-144691784	20.7813	23.3663	0.169142	0.845125
XLOC_010247	CNDP2	chr18:72163499-72190689	15.3168	17.223	0.169218	0.828589
XLOC_017148	KIF2A	chr5:61601988-61683011	4.99314	5.61465	0.169248	0.851389
XLOC_021627	LOC286190	chr8:71520811-71581447	0.0083452	0.00938519	0.169438	1
XLOC_009176	UTP18	chr17:49337896-49375292	36.2966	40.8213	0.169488	0.833863
XLOC_020683	PSMC2	chr7:102987970-103086624	31.2768	35.1757	0.169489	0.828583
XLOC_023089	ST6GALNAC4	chr9:130670164-130679304	202.888	228.185	0.169521	0.832265
XLOC_016146	WDR53	chr3:196281058-196295413	2.58077	2.90259	0.169537	0.918953
XLOC_003940	HRAS	chr11:532241-535550	43.1075	48.483	0.169539	0.845726
XLOC_017087	GUSBP1	chr5:21459588-21589481	2.57637	2.89771	0.16957	0.930066
XLOC_012126	SPAST	chr2:32286679-32382706	1.86888	2.10212	0.169674	0.877497
XLOC_012732	SCLY,UBE2F	chr2:238875586-239008054	29.293	32.9493	0.169694	0.83505
XLOC_021632	TERF1	chr8:73921096-73959987	12.291	13.8252	0.169702	0.833592
XLOC_010617	GCDH	chr19:13001973-13030086	27.6323	31.0825	0.169745	0.835119
XLOC_002504	SGPL1	chr10:72575703-72640932	7.19282	8.09106	0.169771	0.833863

XLOC_004086	PSMA1	chr11:14526421-14665180	134.408	151.215	0.169991	0.830321
XLOC_012997	LOXL3	chr2:74753774-74784678	5.55112	6.24546	0.170029	0.986822
XLOC_014514	LIMK2	chr22:31608249-31676066	9.2805	10.4415	0.170052	0.851815
XLOC_004535	ZW10	chr11:113603904-11364448	4.39807	4.94858	0.170145	0.865806
XLOC_010890	ARHGEF1	chr19:42387266-42411604	40.9982	46.1309	0.170175	0.830246
XLOC_008388	SLX4	chr16:3631183-3661585	1.37871	1.55133	0.170192	0.897782
XLOC_015800	PSMD6	chr3:63989697-64009686	79.0438	88.943	0.17023	0.828583
XLOC_008740	PRDM7	chr16:90122973-90142338	0.0138158	0.0155468	0.170294	1
XLOC_006715	ACIN1	chr14:23527773-23569665	57.4835	64.6889	0.170369	0.912776
XLOC_005362	ASUN	chr12:27058111-27091254	7.69452	8.65931	0.17042	0.8501
XLOC_017555	CLPTM1L	chr5:1317999-1345002	46.2119	52.0069	0.17044	0.830384
XLOC_000553	PRPF38B	chr1:109234931-10924442	9.93069	11.1768	0.17054	0.929657
XLOC_014479	ADRBK2	chr22:25960860-26125258	0.437356	0.492235	0.17054	0.913628
XLOC_008024	NFATC2IP	chr16:28962317-28977767	8.91364	10.0322	0.170549	0.837706
XLOC_006004	TFDP1	chr13:114239002-11429578	22.0601	24.8296	0.170627	0.828589
XLOC_013075	RNF149	chr2:101892062-101925178	14.8856	16.7546	0.170637	0.832174
XLOC_012245	STAMBP	chr2:74056042-74094295	5.5955	6.29824	0.170682	0.833863
XLOC_008363	RNPS1	chr16:2303099-2318413	132.573	149.224	0.170688	0.829377
XLOC_004669	CD9	chr12:6309481-6347437	261.9	294.795	0.170697	0.833147
XLOC_014757	LIF	chr22:30636435-30642840	17.677	19.8982	0.17076	0.835941
XLOC_015606	SGOL1	chr3:20202084-20227919	2.94422	3.31423	0.170788	0.901347
XLOC_003426	SLC35C1	chr11:45825622-45834567	10.0672	11.3329	0.170855	0.85192
XLOC_017940	PANK3	chr5:167982627-168006614	2.76151	3.10888	0.170937	0.880833
XLOC_021101	NSUN5	chr7:72716513-72722864	28.7562	32.3741	0.170967	0.832611
XLOC_021703	ATP6V1C1	chr8:104033247-104085288	14.866	16.7389	0.171188	0.822774
XLOC_003256	TSSC4	chr11:2423522-2425106	40.2725	45.3469	0.17121	0.837836
XLOC_016697	DHX15	chr4:24529087-24586184	33.4199	37.6323	0.171267	0.825098
XLOC_005070	C12orf45	chr12:105380097-10538858	48.537	54.6573	0.171329	0.845974
XLOC_020810	CASP2	chr7:142985307-143004788	12.0725	13.5949	0.171333	0.83059
XLOC_013717	PTPN1	chr20:49126890-49201086	19.2632	21.6933	0.171399	0.827857
XLOC_004785	MRPS35	chr12:27863705-27909237	35.4212	39.8926	0.171508	0.830184
XLOC_022599	NUP188	chr9:131707808-131769378	30.0342	33.8262	0.171536	0.849166
XLOC_000369	RAD54L	chr1:46713366-46769038	9.14615	10.3013	0.171596	0.955089
XLOC_008852	USP43	chr17:9548853-9633003	1.23578	1.39188	0.171607	0.918898
XLOC_014585	L3MBTL2	chr22:41601312-41636935	9.76785	11.0018	0.171629	0.83956
XLOC_003001	AGAP5	chr10:75434032-75457554	0.670423	0.755137	0.171666	0.944284
XLOC_012181	ERLEC1	chr2:53897116-54087170	11.7604	13.2466	0.171685	0.876899
XLOC_000069	SLC25A33	chr1:9599527-9642831	21.6461	24.3832	0.171784	0.845125
XLOC_021508	RHOBTB2	chr8:22844929-22941132	3.86672	4.35611	0.171932	0.978981
XLOC_004174	HAUS7	chrX:152713122-15277500	19.5749	22.0553	0.172116	0.85843
XLOC_008055	FBRS	chr16:30675777-30682131	22.3253	25.1556	0.172196	0.830816
XLOC_005073	ATXN2	chr12:111890017-11203748	5.49613	6.19305	0.172234	0.850933
XLOC_021172	PON2	chr7:95034173-95064384	33.6584	37.9268	0.17225	0.826204
XLOC_003356	GTF2H1	chr11:18343815-18388590	9.67536	10.9023	0.17225	0.833086
XLOC_012680	RHBDD1	chr2:227700670-22786392	2.90299	3.27118	0.172273	0.867828
XLOC_004577	PVRL1	chr11:119508807-11959943	9.24035	10.4133	0.172401	0.926225
XLOC_018333	TDRD6	chr6:46655611-46703430	0.027337	0.0308089	0.172493	1
XLOC_013689	DNTTIP1	chr20:44420575-44440066	77.8589	87.7575	0.17266	0.823379
XLOC_001382	SLC9A1	chr1:27425299-27481621	8.7526	9.86562	0.172698	0.846228
XLOC_012844	PPM1G	chr2:27604065-27632550	111.008	125.132	0.172777	0.827004
XLOC_000678	ECM1	chr1:150480486-150486268	1.37801	1.55338	0.172819	0.931471
XLOC_015958	RAB6B	chr3:133543079-133614691	0.50977	0.574652	0.172842	0.930157
XLOC_016526	LSM6	chr4:147096834-147111213	24.746	27.8981	0.17297	0.848298
XLOC_016316	FIP1L1	chr4:54243819-54326103	8.3978	9.46821	0.173081	0.849194
XLOC_017511	PRELID1	chr5:176730762-176739292	173.949	196.122	0.173083	0.881965
XLOC_003737	PCF11	chr11:82868136-82896835	2.98272	3.36291	0.173084	0.854683
XLOC_005427	DDN	chr12:49388932-49393088	4.85573	5.47538	0.173271	0.871982
XLOC_014542	CDC42EP1	chr22:37956470-37965410	115.573	130.326	0.17333	0.828858
XLOC_011466	FARSA	chr19:13033283-13044558	87.6235	98.816	0.173428	0.820463
XLOC_005865	WBP4	chr13:41635696-41658139	4.23946	4.781	0.173432	0.872604
XLOC_016417	NUDT9	chr4:88343727-88380606	7.23806	8.16287	0.173474	0.840803
XLOC_006226	TUBGCP3	chr13:113139327-11324248	3.53066	3.98182	0.173489	0.86543
XLOC_013706	CSE1L	chr20:47662782-47713497	43.8992	49.5092	0.173501	0.822187
XLOC_002940	BICD2	chr9:95473644-95527083	10.6856	12.0515	0.173539	0.828589
XLOC_000120	DNAJC16	chr1:15853351-15911605	2.08198	2.34833	0.173677	0.925191
XLOC_000231	PHACTR4	chr1:28696092-28826881	4.0613	4.58155	0.173892	0.842753
XLOC_020980	HOXA7	chr7:27179982-27196296	12.3787	14.3706	0.173908	0.907689
XLOC_017912	FAM114A2	chr5:153371268-153418497	3.50266	3.95145	0.17393	0.868469
XLOC_018871	MED20	chr6:41873091-41888877	3.74393	4.22376	0.173975	0.878528
XLOC_017013	MGC45800	chr4:183060158-183065668	0.744425	0.839854	0.174013	0.926258
XLOC_022838	EXOSC3	chr9:37779710-37785089	17.1821	19.3854	0.174062	0.828889
XLOC_000798	IFI16	chr1:158979681-159024948	34.4972	38.9212	0.174078	0.823658
XLOC_003936	IFITM3	chr11:319672-320914	325.589	367.375	0.174203	0.823458
XLOC_000494	LMO4	chr1:87794150-87814607	4.60796	5.19952	0.174249	0.856449
XLOC_008407	FAM86A	chr16:5121809-5147789	10.1591	11.4641	0.174353	0.912696
XLOC_015023	XYLB	chr3:38388250-38456467	1.59099	1.79546	0.174427	0.90314
XLOC_021533	EXTL3	chr8:28558989-28611207	14.3538	16.1986	0.174431	0.85377
XLOC_0007814	HBA1	chr16:226678-227520	0.268409	0.302906	0.174433	1
XLOC_015761	PBRM1	chr3:52579367-52719866	1.764	1.99073	0.17445	0.853262

XLOC_008311	RHBDF1	chr16:108057-122629	18.6318	21.0271	0.174479	0.83464
XLOC_014394	IL17RA	chr22:17565848-17596584	3.46559	3.91152	0.174628	0.841712
XLOC_023695	ABCD1	chrX:152990322-153010211	10.5701	11.9309	0.174718	0.845125
XLOC_013430	HJURP	chr2:234745485-23476321	15.3976	17.38	0.174721	0.827718
XLOC_008946	TRAF4	chr17:27071022-27077976	20.5854	23.2384	0.174885	0.827004
XLOC_022584	COQ4	chr9:131084790-13109635	73.4131	82.8777	0.174947	0.820185
XLOC_008035	KIF22	chr16:29802033-29816706	58.0984	65.5915	0.175011	0.813924
XLOC_021983	PRKDC	chr8:48685668-48872743	10.397	11.7394	0.175188	0.82129
XLOC_001180	LOC729737	chr1:134772-140566	0.209874	0.236983	0.175257	1
XLOC_004139	ABTB2	chr11:34172533-34379555	2.0132	2.27326	0.175274	0.896032
XLOC_018444	CDC40	chr6:110501623-11055342	4.22689	4.77301	0.175303	0.845125
XLOC_023611	SLC25A14	chrX:129474046-12950733	5.52631	6.24053	0.175353	0.885828
XLOC_010711	RFXANK	chr19:19256375-19314238	38.0465	42.9638	0.175359	0.930066
XLOC_023908	LAS1L	chrX:64732461-64754686	24.4737	27.6391	0.175482	0.821849
XLOC_000206	DHDDS	chr1:26758772-26797795	6.54259	7.38891	0.175499	0.844285
XLOC_005367	ERGIC2	chr12:29493578-29534143	15.6868	17.7167	0.17556	0.830101
XLOC_013592	POFUT1	chr20:30795695-30826467	6.76883	7.64483	0.175579	0.823931
XLOC_021614	MTFR1	chr8:66556887-66622798	14.2384	16.0815	0.175613	0.825249
XLOC_017433	G3BP1	chr5:151151475-15118491	33.6447	38.0016	0.175684	0.823458
XLOC_023631	SLC9A6	chrX:135067582-13512942	2.09252	2.36355	0.175712	0.876899
XLOC_020394	NUPL2	chr7:23221445-23240630	10.0774	11.3834	0.175808	0.853057
XLOC_014737	TPST2	chr22:26921713-26986089	15.2778	17.2585	0.17587	0.845726
XLOC_015969	DBR1	chr3:137879829-13789379	5.15674	5.82538	0.175892	0.863259
XLOC_003162	PRDX3	chr10:120927214-1209383	86.6113	97.8418	0.175895	0.816305
XLOC_023619	PHF6	chrX:133507341-13356282	3.87107	4.3732	0.175957	0.837677
XLOC_007158	OIP5-AS1	chr15:41576200-41591795	8.94074	10.1014	0.176088	0.850795
XLOC_005250	MLF2	chr12:6857157-6862636	192.467	217.458	0.176126	0.823658
XLOC_002949	SLC16A9	chr10:61410521-61469649	2.99043	3.37908	0.176277	0.869168
XLOC_007203	DUT	chr15:48623620-48635570	42.666	48.2159	0.176421	0.815945
XLOC_021330	CNOT4	chr7:135046546-13519487	4.06909	4.59844	0.176437	0.872117
XLOC_018176	C6orf136	chr6:30614815-30640830	25.1597	28.4335	0.176476	0.943067
XLOC_002414	BMS1	chr10:43277953-43330385	8.22232	9.29268	0.176549	0.819681
XLOC_024048	C1GALT1C1	chrX:119759528-11976400	8.14458	9.20505	0.176585	0.848999
XLOC_001387	PRAM1	chr19:8554939-8567538	0.176885	0.199923	0.176663	1
XLOC_013803	TBC1D20	chr20:416123-443187	10.6851	12.0788	0.17688	0.819258
XLOC_001672	SASS6	chr1:100549101-10059851	1.47536	1.66819	0.177216	0.887208
XLOC_014469	SNRPD3	chr22:24951617-24968509	39.7585	44.9584	0.177328	0.820463
XLOC_007169	SNAP23	chr15:42787503-42825259	21.9798	24.8557	0.1774	0.822751
XLOC_014974	OXNAD1	chr3:16306666-16347594	1.76768	1.99907	0.177473	0.889644
XLOC_018772	VARS	chr6:31745296-31763712	54.8458	62.027	0.177515	0.816112
XLOC_003320	AKIP1	chr11:8932700-8954553	21.708	24.5517	0.177597	0.845125
XLOC_018306	RRP36	chr6:42989384-42997337	27.4636	31.0622	0.17764	0.82944
XLOC_000609	VANGL1	chr1:116184573-11624084	1.63312	1.84713	0.177654	0.852163
XLOC_009466	TP53	chr17:7571719-7606820	27.0795	30.6282	0.177658	0.871957
XLOC_002029	CENPL	chr1:173768687-17379377	3.95935	4.47822	0.177663	0.879021
XLOC_022939	IPPK	chr9:95059639-95432547	6.5939	7.45815	0.177685	0.923228
XLOC_009968	SLC25A19	chr17:73267379-73285530	24.298	27.4835	0.177727	0.832662
XLOC_011874	C19orf48	chr19:51300960-51307974	326.43	369.246	0.177808	0.823379
XLOC_018317	MAD2L1BP	chr6:43597278-43608688	36.854	41.6882	0.177815	0.821056
XLOC_008133	HERPUD1	chr16:56965747-56977793	56.9385	64.4075	0.177824	0.820014
XLOC_022675	TRAF2	chr9:139780964-13982106	36.1758	40.9233	0.177899	0.814433
XLOC_016584	SPCS3	chr4:177241089-17725339	15.8203	17.8977	0.177998	0.810878
XLOC_020598	CLDN12	chr7:90032647-90045268	12.6891	14.3554	0.177998	0.819644
XLOC_011298	TIMM13	chr19:2389783-2427875	81.4858	92.1886	0.17804	0.806424
XLOC_017145	NDUFAF2	chr5:60240955-60448864	93.4755	105.754	0.178048	0.819579
XLOC_013675	KCNK15	chr20:43374487-43438979	0.0860407	0.0973432	0.178062	1
XLOC_002745	BUB3	chr10:124913759-1249248	106.366	120.339	0.178073	0.844714
XLOC_014863	RRP7A	chr22:42896584-42915829	24.4195	27.6278	0.178088	0.808353
XLOC_000771	SEMA4A	chr1:156119734-15614754	0.025978	0.0293915	0.178107	1
XLOC_021555	LETM2	chr8:38243958-38266062	3.5657	4.03423	0.178108	0.890622
XLOC_013078	MFSFD9	chr2:103333665-10335333	1.70735	1.93171	0.178115	0.908114
XLOC_007755	WDR73	chr15:85186011-85197521	9.40118	10.6372	0.178199	0.847891
XLOC_003668	NDUFS8	chr11:67798083-67804114	181.999	205.927	0.178203	0.811724
XLOC_005190	RAN	chr12:131356616-1313608	365.597	413.701	0.178337	0.825625
XLOC_007910	ZNF263	chr16:3333486-3341459	11.6439	13.1762	0.178363	0.819612
XLOC_015619	AZI2	chr3:28363843-28390618	15.3937	17.4214	0.178525	0.881851
XLOC_023913	PJA1	chrX:68380580-68385365	7.63392	8.63979	0.178572	0.858966
XLOC_021326	SLC35B4	chr7:133974089-13400182	3.1793	3.59829	0.178603	0.841354
XLOC_010923	CEACAM19	chr19:45174723-45187627	11.3967	12.9006	0.178819	0.835119
XLOC_017889	CSNK1A1	chr5:148875456-14893111	30.148	34.127	0.178854	0.808776
XLOC_021469	FDFT1	chr8:11660189-11696818	58.8333	66.5987	0.17886	0.819513
XLOC_014227	PCNT	chr21:47744035-47865682	2.10449	2.38229	0.178876	0.8433
XLOC_017964	CLTB	chr5:175819455-17584357	122.431	138.604	0.179003	0.809695
XLOC_018109	BTN2A2	chr6:26383323-26395100	3.16314	3.581	0.179004	0.870466
XLOC_022247	RECQL4	chr8:145736666-14574321	29.2619	33.1279	0.179026	0.811724
XLOC_009004	PIGW	chr17:34891402-34895150	4.57808	5.18337	0.179148	0.868277
XLOC_005899	DLU1	chr13:50556687-50699677	6.98657	7.91154	0.179373	0.965607
XLOC_009374	INPP5K	chr17:1397870-1420182	13.9558	15.804	0.179429	0.824676
XLOC_013745	NELFCD	chr20:57556262-57570188	37.624	42.6085	0.179489	0.808353

XLOC_006968	BCL11B	chr14:99635624-99737822	0.148638	0.168333	0.179517	1
XLOC_017450	UBLCP1	chr5:158690088-158713048	8.62827	9.77198	0.179579	0.831644
XLOC_013321	NDUFS1	chr2:206987802-207024243	10.3712	11.7461	0.179596	0.820804
XLOC_022175	FAM49B	chr8:130851838-131028889	21.873	24.7727	0.179599	0.810365
XLOC_005959	DNAJC3	chr13:96329392-96447243	6.63425	7.5143	0.179705	0.821056
XLOC_012255	LBX2-AS1	chr2:74724643-74734821	7.88077	8.92639	0.179741	0.945946
XLOC_012044	TAF1B	chr2:9983570-10074545	3.55536	4.0271	0.179747	0.872961
XLOC_005433	TUBA1B	chr12:49521566-49525304	710.282	804.533	0.17976	0.830817
XLOC_020929	CCZ1B	chr7:6838565-6865926	6.50408	7.36714	0.179761	0.860963
XLOC_007594	CCPG1,DYX1C1	chr15:55611132-55800432	3.17127	3.59229	0.179841	0.915595
XLOC_006321	FAM177A1	chr14:35514112-35552589	4.42612	5.0138	0.179861	0.848564
XLOC_004992	RAB21	chr12:72148657-72181150	12.3018	13.9354	0.179887	0.828589
XLOC_003332	CTR9	chr11:10772810-10801290	8.40228	9.51842	0.179941	0.819455
XLOC_009538	SHMT1	chr17:18218593-18266856	17.2444	19.5358	0.179996	0.874855
XLOC_016079	DCUN1D1	chr3:182660558-182698326	3.4564	3.91605	0.180131	0.857478
XLOC_009855	MMD	chr17:53469973-53499341	2.58684	2.93094	0.180173	0.882845
XLOC_008766	CTNS	chr17:3539761-3599698	4.63002	5.2461	0.180228	0.978714
XLOC_000358	UROD	chr1:45477804-45481341	135.33	153.339	0.180238	0.812413
XLOC_007933	PMM2	chr16:8891669-8943194	19.8813	22.5269	0.180241	0.825249
XLOC_007331	IREB1	chr15:78730517-78793798	3.72199	4.21757	0.180336	0.826204
XLOC_017761	FBXL17	chr5:107194733-107717795	1.0844	1.22888	0.180444	0.897241
XLOC_003675	TPCN2	chr11:68816349-68858072	2.96302	3.35787	0.180479	0.86157
XLOC_001655	FAM69A	chr1:93297593-93427079	2.50533	2.83921	0.18049	0.984917
XLOC_017231	POLR3G	chr5:89770680-89810369	3.67107	4.1604	0.180521	0.8501
XLOC_023028	AKNA	chr9:117096432-117156685	3.67518	4.16511	0.180539	0.869104
XLOC_009735	ACL1	chr17:40023178-40075272	32.6338	36.9856	0.180596	0.805942
XLOC_005734	GCN1L1	chr12:120565013-12063251	13.8515	15.6994	0.180669	0.803555
XLOC_018636	BLOC1S5,EEF1E1,TXNDC5	chr6:7727010-8102828	117.395	133.057	0.180673	0.848017
XLOC_009486	MYH10	chr17:8377522-8534079	0.085356	0.0967439	0.180677	1
XLOC_015160	ABHD6	chr3:58223258-58280461	5.61265	6.36172	0.180734	0.856449
XLOC_002202	CAPN8	chr1:223714971-223853436	0.0284962	0.032302	0.180853	1
XLOC_020473	CCM2	chr7:45039344-45116069	20.2948	23.0053	0.18086	0.835119
XLOC_010335	SLC39A6	chr18:33688493-33709357	19.5699	22.1842	0.180901	0.806389
XLOC_010268	ENOSF1	chr18:596997-712662	14.8638	16.8498	0.180935	0.853758
XLOC_005672	LOC100505978	chr12:106751435-10728305	0.0846959	0.0960196	0.181037	1
XLOC_018062	CD83	chr6:14117486-14137148	4.35313	4.93556	0.181161	0.868277
XLOC_015729	IFRD2	chr3:50316517-50330026	80.8933	91.718	0.181184	0.797744
XLOC_005039	NEDD1	chr12:97301000-97347469	3.8162	4.32695	0.181213	0.843587
XLOC_005681	CORO1C	chr12:109038884-10912532	91.9276	104.232	0.181234	0.816178
XLOC_023551	CLDN2	chrX:106143292-10617409	0.0398918	0.0452329	0.18128	1
XLOC_011265	RNF126	chr19:647525-663233	74.9109	84.9448	0.181349	0.813342
XLOC_009186	SCPEP1	chr17:55055467-55084129	10.7239	12.1605	0.181367	0.832286
XLOC_024196	G6PD	chrX:153759605-15379326	22.7941	25.8501	0.181509	0.872056
XLOC_017189	UTP15	chr5:72861597-72877794	3.55749	4.03445	0.18151	0.852163
XLOC_005296	STYK1	chr12:10771537-10826891	0.175929	0.199518	0.181529	1
XLOC_004427	KCTD14,NDUFC2,NDUFC2	chr11:77726760-77850699	21.4397	24.3149	0.181559	0.907929
XLOC_006910	TMED8	chr14:77808113-77843396	0.222846	0.252734	0.18157	1
XLOC_023158	NACC2	chr9:138898382-138987131	7.47441	8.4772	0.181627	0.8171
XLOC_018181	VARS2	chr6:30881981-30894235	15.7669	17.8823	0.181628	0.813139
XLOC_006075	ALG5	chr13:37523907-37573504	32.0145	36.3118	0.181713	0.814226
XLOC_008642	COG8,PDF	chr16:69362523-69377013	28.653	32.4991	0.181714	0.948179
XLOC_003951	SLC25A22	chr11:790474-798269	19.9445	22.6235	0.181831	0.821848
XLOC_000227	XKR8	chr1:28286503-28294604	11.3412	12.8655	0.181941	0.851127
XLOC_022475	SEC61B	chr9:101984569-101992901	229.254	260.078	0.181997	0.80896
XLOC_006729	NRL	chr14:24549315-24553832	0.474483	0.538376	0.182258	0.959465
XLOC_000458	FPGT,FPGT-TNNI3K,TNNI3	chr1:74663895-75010116	1.34082	1.52137	0.182261	0.877669
XLOC_012312	NCAPH	chr2:97001483-97041274	4.88584	5.54443	0.182435	0.824676
XLOC_010467	OAZ1	chr19:2269519-2273487	876.525	994.723	0.1825	0.817332
XLOC_005482	LOC283335	chr12:53436972-53473204	0.337478	0.382991	0.182517	0.907689
XLOC_009605	UTP6	chr17:30190189-30228729	18.5128	21.0108	0.182604	0.813004
XLOC_021189	PDAP1	chr7:98972297-99006305	95.2287	108.084	0.182678	0.876899
XLOC_015680	CSPG5	chr3:47603727-47621730	1.29687	1.47204	0.182792	0.931161
XLOC_013246	HOXD-AS2	chr2:176999568-177001826	7.53019	8.54788	0.182882	0.93549
XLOC_008203	CYB5B	chr16:69458497-69500167	12.7307	14.4529	0.183044	0.805942
XLOC_020360	ANKRD61	chr7:6048881-6098860	0.123606	0.14033	0.183075	1
XLOC_000907	SOAT1	chr1:179262848-179327814	3.33732	3.78902	0.183136	0.830384
XLOC_005160	DENR	chr12:123237370-12325595	20.3468	23.1012	0.183171	0.799255
XLOC_005445	LIMA1	chr12:50569562-50677353	4.113	4.6699	0.183201	0.844685
XLOC_013369	IHH	chr2:219919141-219925236	0.0654358	0.0742996	0.183274	1
XLOC_012135	LTBP1	chr2:33172368-33624575	1.48681	1.68839	0.183427	0.877493
XLOC_002204	NVL	chr1:224415035-224517891	5.94328	6.74911	0.183439	0.840026
XLOC_022160	C8orf76,ZHX1,ZHX1-C8ORF	chr8:124232195-124287781	33.4606	37.9996	0.18352	0.829085
XLOC_004209	SSRP1	chr11:57093458-57103351	100.3	113.909	0.183561	0.806888
XLOC_023003	TXN	chr9:113006091-113018926	772.521	877.341	0.183562	0.806008
XLOC_015070	LIMD1	chr3:45636322-45730374	4.41497	5.01414	0.1836	0.865379
XLOC_023812	RPGR	chrX:38128422-38186788	1.19856	1.3613	0.183675	0.90314
XLOC_012550	ZC3H15	chr2:187350884-187374081	28.657	32.5487	0.183711	0.807024
XLOC_013440	HES6	chr2:239146907-239148681	142.788	162.2	0.183893	0.80341
XLOC_011611	NFKBID	chr19:36379142-36391552	2.1429	2.43456	0.184092	0.920298

XLOC_007934	C16orf72	chr16:9185536-9213555	7.36966	8.37284	0.184118	0.819877
XLOC_007222	PIGB	chr15:55611132-55800432	2.82982	3.21515	0.184177	0.958814
XLOC_008173	TMEM208	chr16:67261015-67263182	77.7171	88.3032	0.184234	0.80896
XLOC_015877	NAA50	chr3:113435306-113465120	16.8965	19.1982	0.184246	0.804229
XLOC_009112	NMT1	chr17:43138679-43186382	20.0708	22.806	0.184316	0.799544
XLOC_017025	ACSL1	chr4:185676748-185747215	7.66441	8.71017	0.184527	0.806888
XLOC_007940	RM12	chr16:11439310-11445617	6.60433	7.50587	0.184606	0.877493
XLOC_017320	HSPA4	chr5:132387661-132440705	39.7428	45.1746	0.184821	0.797456
XLOC_006377	KIAA0586	chr14:58862643-59015549	0.517038	0.587705	0.184821	0.979944
XLOC_022781	NDUFB6	chr9:32553523-32573182	58.6858	66.7095	0.184881	0.804053
XLOC_018683	HIST1H2AD,HIST1H3D	chr6:26197011-26199521	2.89963	3.29616	0.184917	0.946765
XLOC_018192	MICB	chr6:31465854-31478901	7.77187	8.83475	0.184927	0.832722
XLOC_001792	HIST2H2BE	chr1:149856009-149858232	5.7521	6.53876	0.184928	0.86601
XLOC_008230	PSMD7	chr16:74330672-74340186	46.1708	52.4853	0.184934	0.800703
XLOC_008753	RPA1	chr17:1733272-1802848	13.6541	15.523	0.185081	0.799255
XLOC_017751	RIOK2	chr5:96496570-96519005	6.38607	7.26021	0.185083	0.831889
XLOC_009222	ACE	chr17:61554421-61575741	3.86978	4.3995	0.185087	0.864019
XLOC_011546	MEF2B,MEF2BNB,MEF2BN	chr19:19256375-19314238	13.5009	15.3509	0.185261	0.974044
XLOC_009653	CWCV25	chr17:36956686-36981603	6.38355	7.25834	0.18528	0.826656
XLOC_023743	PRKX	chrX:3522383-3631675	5.71189	6.49471	0.185296	0.80896
XLOC_003817	DLAT	chr11:111895537-11194485	4.44662	5.05604	0.185297	0.833197
XLOC_003336	MICALCL	chr11:12308446-12380691	0.297089	0.337826	0.185386	1
XLOC_019004	MMS22L	chr6:97372495-97862283	1.2169	1.38385	0.18548	0.851815
XLOC_015296	DIRC2	chr3:122513900-12259998	10.1969	11.5959	0.185487	0.811389
XLOC_018815	BAK1	chr6:33540322-33548070	47.3743	53.8742	0.185489	0.797015
XLOC_017533	CNOT6	chr5:179921416-18000535	4.83437	5.49767	0.185494	0.811724
XLOC_023025	POLE3	chr9:116169517-11619187	40.902	46.5162	0.185562	0.793038
XLOC_000861	TIPRL	chr1:168148170-16817135	9.7713	11.1126	0.185573	0.813924
XLOC_018241	PFDN6	chr6:33257373-33258711	96.7168	109.994	0.185591	0.799255
XLOC_011379	TIMM44	chr19:7991602-8008708	27.6752	31.4749	0.185607	0.802508
XLOC_009473	HES7	chr17:8023907-8027410	11.7716	13.3879	0.185619	0.854644
XLOC_013330	PLEKHM3	chr2:208686011-20889028	0.32778	0.372797	0.185664	0.912308
XLOC_019197	THBS2	chr6:169615874-16965413	0.337889	0.384307	0.185711	0.932638
XLOC_014490	ZNRF3	chr22:29279754-29453476	1.4595	1.66005	0.185753	0.872554
XLOC_003133	LOC100505933	chr10:111705316-1118953	0.041587	0.0473023	0.185778	1
XLOC_023608	UTP14A	chrX:129040096-12906373	9.87137	11.2281	0.185797	0.817735
XLOC_021500	POLR3D	chr8:22102618-22108680	24.4263	27.7836	0.185801	0.812655
XLOC_017638	HMGCS1	chr5:43287571-43313614	2.71268	3.08563	0.185846	0.828589
XLOC_017267	SRP19	chr5:112196884-11225803	18.8179	21.407	0.185981	0.950684
XLOC_017678	TRIM23	chr5:64885506-64920187	1.54797	1.76099	0.186009	0.926899
XLOC_013177	RND3	chr2:151324706-15134420	5.83504	6.63858	0.186131	0.833197
XLOC_022969	C9orf156	chr9:100666771-10068485	5.71524	6.50279	0.186245	0.868469
XLOC_018732	ZNRD1-AS1	chr6:29968787-30028961	0.517408	0.588754	0.186363	0.976618
XLOC_003673	GAL	chr11:68451982-68458643	134.982	153.596	0.186379	0.803764
XLOC_003875	SC5DL	chr11:121163387-1211841	2.5169	2.86404	0.186405	0.826204
XLOC_009351	SLC16A3	chr17:80186281-80197375	204.981	233.256	0.186421	0.80896
XLOC_010028	SLC38A10	chr17:79218798-79269096	22.5369	25.6456	0.186423	0.802508
XLOC_008815	SPEM1	chr17:7323678-7324951	0.566359	0.6445	0.186464	0.966946
XLOC_019161	RSPH3	chr6:159398265-15942119	1.72731	1.96586	0.186632	0.913628
XLOC_017100	RAI14	chr5:34656432-34832717	5.3421	6.07988	0.186633	0.806888
XLOC_000498	LRRC8B	chr1:89990396-90063420	1.44262	1.64187	0.186652	0.844167
XLOC_005605	CCDC59	chr12:82746082-82873016	18.8631	21.4706	0.1868	0.811195
XLOC_006340	FANCM	chr14:45605135-45670093	0.437445	0.49792	0.186811	0.907657
XLOC_000207	HMGN2	chr1:26798901-26803133	197.665	225.003	0.186886	0.806389
XLOC_003132	XPNP1	chr10:111624523-1116833	30.2158	34.3977	0.187011	0.796838
XLOC_007224	TEX9	chr15:56657643-56757335	0.425974	0.484933	0.187022	0.976595
XLOC_017955	NKX2-5	chr5:172659106-17266231	27.2037	30.9702	0.187076	0.830384
XLOC_000820	NIT1	chr1:161070345-16110247	30.5566	34.7873	0.187077	0.966946
XLOC_020675	LRWD1	chr7:102105389-10211938	29.4016	33.474	0.187144	0.935279
XLOC_017673	DIMT1	chr5:61684350-61699728	26.8265	30.5422	0.187145	0.80323
XLOC_013194	WDSUB1	chr2:160092303-16014323	5.74406	6.53988	0.187192	0.849711
XLOC_010183	PIK3C3	chr18:39535198-39661446	7.73793	8.81018	0.187223	0.810912
XLOC_014136	SOD1	chr21:33031934-33041243	332.827	378.97	0.187312	0.79799
XLOC_006328	LOC100129794	chr14:37147125-37642998	1.14788	1.30711	0.187405	0.966946
XLOC_008682	TMEM170A	chr16:75480922-75498584	5.0849	5.7905	0.187466	0.895818
XLOC_020738	CALU	chr7:128379345-12841584	28.2799	32.2054	0.187522	0.795292
XLOC_010709	ARMC6	chr19:19144386-19168987	21.4179	24.3915	0.18756	0.804881
XLOC_004699	PEX5	chr12:7341758-7371169	30.4516	34.6801	0.187586	0.795219
XLOC_005516	WIBG	chr12:56295196-56321697	16.4223	18.7028	0.187604	0.837677
XLOC_015596	HACL1	chr3:15602239-15643130	11.7483	13.38	0.187626	0.815945
XLOC_008789	RABEP1	chr17:5185557-5289132	7.49274	8.53358	0.187658	0.801067
XLOC_010259	CTDP1	chr18:77439800-77514510	11.2779	12.8448	0.187684	0.823458
XLOC_000292	MANEAL	chr1:38259773-38267278	10.7838	12.2832	0.187819	0.817762
XLOC_022157	DERL1	chr8:124025403-12405466	30.1517	34.3445	0.187836	0.788214
XLOC_023793	ACOT9	chrX:23721776-23761407	23.9455	27.2765	0.187902	0.797849
XLOC_005450	TFCP2	chr12:51487538-51566926	2.66804	3.03943	0.18802	0.850906
XLOC_018658	TPMT	chr6:18128544-18155374	4.30093	4.89973	0.188054	0.831797
XLOC_002449	MAMPK8	chr10:49609686-49643183	7.51345	8.55985	0.188111	0.851362
XLOC_008876	UBB	chr17:16284366-16286054	1035.83	1180.1	0.188118	0.819258

XLOC_007562	SLC30A4	chr15:45774679-45848928	0.112607	0.128292	0.188128	1
XLOC_000597	CAPZA1	chr1:113162074-11321424	72.1928	82.2543	0.188236	0.799327
XLOC_008796	C17orf100	chr17:6555058-6556617	0.515092	0.586886	0.188249	0.955709
XLOC_017557	LPCAT1	chr5:1461541-1524076	26.2899	29.956	0.188335	0.793371
XLOC_023137	REXO4	chr9:136243283-13632450	67.528	76.9559	0.188548	0.80896
XLOC_015421	GFM1	chr3:158362316-15841036	7.32152	8.34394	0.188585	0.850795
XLOC_009508	ELAC2	chr17:12692828-12921381	27.3058	31.1217	0.188714	0.812587
XLOC_012375	MERTK	chr2:112656190-11278694	0.886341	1.01033	0.188886	0.910396
XLOC_018449	KIAA1919	chr6:111580481-11159026	0.547652	0.624264	0.188896	0.923433
XLOC_013699	SLC2A10	chr20:45338278-45364985	2.30332	2.62587	0.18908	0.857467
XLOC_022116	COX6C	chr8:100890222-10090624	359.856	410.256	0.189103	0.793371
XLOC_019002	NDUFAF4	chr6:97337186-97345767	9.67983	11.0356	0.189105	0.807444
XLOC_013516	PCNA-AS1	chr20:5095598-5107268	51.1921	58.3663	0.189216	0.980098
XLOC_021733	WDR67	chr8:124084919-12416439	2.25588	2.57211	0.18926	0.865404
XLOC_019102	MAP3K5	chr6:136878186-13711365	0.631899	0.720511	0.189326	0.906935
XLOC_021430	CLN8	chr8:1711869-1734736	2.17065	2.47506	0.189337	0.842475
XLOC_004333	FOSL1	chr11:65659691-65667997	327.072	372.945	0.189351	0.805637
XLOC_012956	GFPT1	chr2:69546900-69614386	6.34032	7.23029	0.189498	0.797958
XLOC_015278	ADPRH	chr3:119298522-11930879	0.810004	0.923735	0.189549	0.914484
XLOC_012821	ADCY3	chr2:25013135-25142055	16.4783	18.7938	0.189692	0.853289
XLOC_018533	PEX3	chr6:143771917-14381175	7.38267	8.42028	0.189726	0.812215
XLOC_008238	MON1B,SYCE1L	chr16:77224835-77246976	9.52411	10.863	0.189768	0.814226
XLOC_004398	FAM168A	chr11:73117027-73309228	1.46842	1.67489	0.189797	0.924468
XLOC_007859	FAHD1	chr16:1877224-1922179	14.255	16.261	0.189945	0.819258
XLOC_003979	NAP1L4	chr11:2965659-3013607	45.6875	52.1196	0.190028	0.781725
XLOC_004705	NECAP1	chr12:8234806-8250373	7.96604	9.0886	0.190196	0.814226
XLOC_007485	EMC7	chr15:34376223-34394053	87.521	99.8571	0.190236	0.783224
XLOC_001555	LRP8	chr1:53692563-53793821	2.45642	2.80286	0.190343	0.942519
XLOC_013192	ACVR1	chr2:158592957-15873237	4.59076	5.23833	0.190372	0.83095
XLOC_008264	USP10	chr16:84733554-84813527	25.3017	28.8713	0.1904	0.794333
XLOC_005178	BRI3BP	chr12:125478193-1255103	13.5397	15.4513	0.190532	0.85843
XLOC_006317	AKAP6	chr14:32798478-33302268	0.012461	0.0142207	0.190579	1
XLOC_000669	VPS45	chr1:150039341-15011750	5.5851	6.37395	0.190604	0.829181
XLOC_015419	RSRC1	chr3:157827840-15826262	3.65379	4.17018	0.190715	0.868469
XLOC_013510	PANK2	chr20:3869485-3904502	13.7557	15.7002	0.190749	0.806459
XLOC_002098	ZNF281	chr1:200375419-20037916	1.88492	2.15138	0.190765	0.873144
XLOC_020383	HDAC9	chr7:18126571-19036992	5.44407	6.21425	0.190895	0.815133
XLOC_015936	RPN1	chr3:128338812-12836971	82.863	94.5862	0.190901	0.796874
XLOC_013804	CSNK2A1	chr20:463337-524482	36.9254	42.1499	0.190915	0.784181
XLOC_014199	RRP1	chr21:45209417-45223983	47.7749	54.5351	0.190931	0.790283
XLOC_020451	YAE1D1	chr7:39606002-39612480	11.0401	12.6033	0.191051	0.846681
XLOC_013921	PLAGL2	chr20:30780306-30795546	4.6494	5.30797	0.191115	0.811598
XLOC_009816	HOXB4	chr17:46652868-46655743	5.83713	6.66426	0.191184	0.868757
XLOC_016282	KLHL5	chr4:39046450-39127853	1.343	1.53338	0.191258	0.844123
XLOC_018103	HIST1H2AE	chr6:26217147-26217711	11.7833	13.4538	0.19128	0.913628
XLOC_017254	FER	chr5:108083522-10852337	0.946366	1.08057	0.191321	0.907657
XLOC_005902	RNASEH2B	chr13:51456514-51544596	19.8516	22.6669	0.191333	0.805637
XLOC_018066	GMPR	chr6:16238810-16295780	15.5085	17.7082	0.191358	0.815706
XLOC_003735	C11orf82	chr11:82612736-82645699	2.03731	2.32628	0.191359	0.857131
XLOC_014153	LINC00310	chr21:35552977-35562220	0.135171	0.15435	0.191421	1
XLOC_013463	PASK	chr2:242045513-24208939	1.91264	2.18418	0.191527	0.870747
XLOC_017023	CASP3	chr4:185548849-18557062	5.80489	6.62919	0.191563	0.829181
XLOC_008693	GCSH	chr16:81115551-81129980	11.8829	13.5708	0.191622	0.814226
XLOC_009278	ARMC7	chr17:73106081-73127890	8.13982	9.29612	0.191633	0.962922
XLOC_020713	NAA38	chr7:117824085-11784409	4.04455	4.6196	0.191788	0.78806
XLOC_003441	NR1H3	chr11:47260852-47290584	3.39568	3.87847	0.191788	0.966946
XLOC_010512	SAFB	chr19:5623045-5668489	35.6155	40.6798	0.191807	0.788211
XLOC_013068	TXNDC9	chr2:99935486-99952860	3.81923	4.36237	0.191828	0.872554
XLOC_014590	XRCC6	chr22:42017294-42060052	196.422	224.359	0.191849	0.79485
XLOC_006395	MTHFD1	chr14:64854758-64926725	30.7167	35.0868	0.191905	0.781066
XLOC_020459	HECW1	chr7:43152197-43602938	0.0414764	0.0473773	0.191905	1
XLOC_001228	WRAP73	chr1:3547330-3566671	24.8032	28.336	0.192109	0.806843
XLOC_021622	MCMDC2	chr8:67782983-67837777	0.175127	0.200075	0.192134	1
XLOC_018894	SLC35B2	chr6:44221837-44225283	42.06	48.0526	0.192167	0.771183
XLOC_001365	C1orf63	chr1:25568739-25573985	11.6764	13.3402	0.192175	0.844458
XLOC_001040	ATF3	chr1:212738675-21279411	18.1332	20.7177	0.192236	0.811389
XLOC_000639	L1X1L	chr1:145477084-14549909	7.93241	9.06356	0.192319	0.860562
XLOC_017616	NUP155	chr5:37291940-37371197	5.41954	6.19299	0.192467	0.798172
XLOC_001454	LOC728431	chr1:37920479-37940044	0.686103	0.784025	0.192474	0.954559
XLOC_021348	SLC37A3	chr7:140033551-14009831	9.7777	11.1732	0.192475	0.797744
XLOC_020861	ABCB8	chr7:150725509-15074486	4.79392	5.47821	0.192499	0.827184
XLOC_002900	C10orf25	chr10:45493145-45500777	0.39274	0.44885	0.192657	0.983049
XLOC_003646	ACTN3	chr11:66313865-66330799	0.0297562	0.0340101	0.192774	1
XLOC_018853	CKNK5	chr6:39156746-39197251	4.4725	5.11197	0.1928	0.833197
XLOC_000323	YBX1	chr1:43148065-43168020	621.327	710.184	0.192842	0.806008
XLOC_008517	DCTPP1	chr16:30435018-30441373	97.858	111.857	0.192893	0.786806
XLOC_012828	KIF3C	chr2:26149454-26205443	2.58719	2.95737	0.192929	0.845125
XLOC_005096	ATP2A2	chr12:110719031-1107888	14.2192	16.2544	0.192995	0.778665
XLOC_008732	CHMP1A	chr16:89710838-89736866	46.6366	53.3204	0.193224	0.801862

XLOC_000322	PPIH	chr1:43124047-43142429	82.9601	94.8516	0.193253	0.781336
XLOC_006065	MINOS1P1	chr13:33006929-33112936	0.0176318	0.0201596	0.193282	1
XLOC_016955	SLC10A7	chr4:147175136-14744312:	0.564443	0.645372	0.193303	0.914351
XLOC_017566	MED10	chr5:6372038-6378639	45.7042	52.2582	0.193331	0.783033
XLOC_021092	PMS2P4	chr7:66741117-66767429	1.36939	1.56588	0.193448	0.952216
XLOC_018172	ABCF1	chr6:30539169-30559309	14.0126	16.0235	0.193465	0.786271
XLOC_000449	GADD45A	chr1:68150859-68154021	130.745	149.511	0.193496	0.790881
XLOC_018049	PAK1IP1	chr6:10695187-10709970	14.2371	16.2814	0.193575	0.806993
XLOC_005199	EP400NL	chr12:132568827-1326108:	0.291055	0.332849	0.193577	1
XLOC_023102	WDR34	chr9:131314836-13141912:	137.915	157.74	0.193773	0.919413
XLOC_005196	PUS1	chr12:132413744-1324284:	34.8141	39.8239	0.19396	0.794296
XLOC_005399	SLC38A1	chr12:46576840-46663208	29.1177	33.3094	0.194036	0.79185
XLOC_012091	TMEM214	chr2:27255773-27264565	27.969	32.0004	0.194261	0.774943
XLOC_020410	HOXA-AS4	chr7:27202056-27219880	0.759811	0.869346	0.19429	0.97314
XLOC_020649	MEPCE	chr7:99998494-100031749	53.6959	61.4421	0.194415	0.790283
XLOC_001795	SF3B4	chr1:149895208-14990014:	60.3509	69.0583	0.194438	0.771666
XLOC_004986	RAB3IP	chr12:70132630-70216984	3.20022	3.66226	0.194562	0.785439
XLOC_021254	SYPL1	chr7:105730813-10575309:	44.605	51.0459	0.19459	0.767826
XLOC_020332	GET4	chr7:916190-936071	42.3425	48.4575	0.194614	0.780349
XLOC_005378	YARS2	chr12:32899477-32908887	31.46	36.0052	0.194686	0.778996
XLOC_019091	SLC18B1	chr6:133090506-13311974:	9.05924	10.3688	0.194787	0.806888
XLOC_013839	RNF24	chr20:3912068-3996216	2.97225	3.40197	0.194815	0.857104
XLOC_004547	SIK3	chr11:116714117-1169689:	2.83853	3.24894	0.194827	0.819681
XLOC_005812	C1QTNF9B-AS1	chr13:24304327-24471125	0.25891	0.296356	0.19488	1
XLOC_013823	IDH3B	chr20:2639040-2644865	45.014	51.5244	0.194884	0.786044
XLOC_009902	FTS3J	chr17:61896792-61909387	14.757	16.8934	0.195057	0.936321
XLOC_017952	SH3PXD2B	chr5:171760502-17188152:	3.48067	3.98462	0.195079	0.807124
XLOC_009229	PSMCS	chr17:61896792-61909387	85.3514	97.7098	0.195088	0.852072
XLOC_005390	PUS7L	chr12:44122409-44152620	1.90675	2.18288	0.195115	0.865814
XLOC_000113	KAZN	chr1:14925212-15478960	5.35145	6.1269	0.195226	0.831797
XLOC_016591	CDKN2AIP	chr4:184365788-18436904:	5.31247	6.08241	0.19526	0.834145
XLOC_014839	RPS19BP1	chr22:39925097-39928860	127.618	146.127	0.195384	0.776703
XLOC_013705	ARFGEF2	chr20:47538274-47653230	1.56033	1.78666	0.195408	0.823658
XLOC_015067	EXOSC7	chr3:45017740-45054158	64.7136	74.1007	0.195418	0.7741
XLOC_015458	ACTL6A	chr3:179280707-17930619:	27.5237	31.5187	0.195534	0.786575
XLOC_009275	ICT1	chr17:73008779-73017356	44.7945	51.2999	0.195633	0.793371
XLOC_018091	TRIM38	chr6:25962916-25987557	1.94475	2.22721	0.195651	0.833863
XLOC_000924	NPL	chr1:182758583-18279951:	0.850106	0.973581	0.195659	0.921047
XLOC_005936	UCHL3	chr13:76123615-76180156	44.8703	51.392	0.195783	0.78079
XLOC_000674	MRPS21	chr1:150266268-15028081:	346.562	396.945	0.195824	0.781057
XLOC_011522	BST2	chr19:17513754-17516384	395.163	452.634	0.195896	0.78806
XLOC_002769	INPP5A	chr10:134351352-1345969:	6.26817	7.1802	0.19598	0.823658
XLOC_014511	SMTN	chr22:31477281-31500610	81.2963	93.1312	0.196075	0.775259
XLOC_002536	PPIF	chr10:81107219-81115089	57.5944	65.9844	0.196195	0.778305
XLOC_002263	EROL1B	chr1:236378421-23644533:	1.44608	1.65675	0.196213	0.849948
XLOC_011333	DPP9	chr19:4675243-4723855	15.4989	17.7578	0.196282	0.782765
XLOC_022047	TCEB1	chr8:74857372-74884522	59.1813	67.8095	0.196346	0.787528
XLOC_020932	RPA3	chr7:7676574-7918851	17.4849	20.0386	0.19667	0.832742
XLOC_022134	LRP12	chr8:105501458-10560125:	3.18963	3.65553	0.196693	0.81526
XLOC_007405	BLM	chr15:91260578-91358686	2.28335	2.61688	0.196696	0.840803
XLOC_021084	ERV3-1,ZNF117	chr7:64434829-64467124	0.745245	0.854153	0.19678	0.913628
XLOC_000034	RER1	chr1:2323213-2344010	35.445	40.6258	0.196815	0.820633
XLOC_002212	PYCR2	chr1:226107576-22611204:	60.8536	69.751	0.196872	0.774943
XLOC_017193	HMGCR	chr5:74632992-74657926	5.02904	5.76464	0.196948	0.79544
XLOC_017283	SRFBP1	chr5:121297655-12136429:	18.3961	21.0871	0.196963	0.778996
XLOC_009571	PIGS	chr17:26880405-26898887	18.6883	21.4251	0.197163	0.1977374
XLOC_016574	CLCN3	chr4:170541671-17064433:	6.30127	7.22442	0.19724	0.783608
XLOC_006016	PSPC1	chr13:20248891-20357159	18.614	21.344	0.197439	0.797744
XLOC_015687	CCDC51	chr3:48473579-48481529	15.7232	18.0299	0.197498	0.808353
XLOC_008303	SPIRE2	chr16:89894906-89937727	8.59532	9.85635	0.197503	0.811423
XLOC_007653	LCTL	chr15:66797430-66857835	0.458386	0.52564	0.197512	0.985921
XLOC_000026	ATAD3A	chr1:1447522-1470067	49.2847	56.5203	0.19763	0.778344
XLOC_017866	PCDH1	chr5:141232672-14125794:	4.97269	5.70326	0.197761	0.81665
XLOC_017390	RELL2	chr5:141016516-14103098:	6.6641	7.64325	0.197777	0.959465
XLOC_015377	ATP1B3	chr3:141595469-14164538:	86.0518	98.6959	0.197785	0.766627
XLOC_009901	CCDC47	chr17:61822609-61851088	19.8336	22.7491	0.197863	0.766445
XLOC_010198	SKA1	chr18:47901391-47920538:	9.04346	10.3751	0.198175	0.806008
XLOC_020665	SERPINE1	chr7:100770369-10078254:	380.788	436.869	0.198211	0.799188
XLOC_005137	COX6A1	chr12:120875892-1208785:	649.128	744.843	0.198434	0.777215
XLOC_006111	LCP1	chr13:46700057-46756459	84.4904	96.9519	0.198483	0.775729
XLOC_009130	GOSR2	chr17:45000485-45018733	6.4358	7.38519	0.198516	0.837677
XLOC_016693	GPR125	chr4:22388996-22517677	4.81096	5.52079	0.19855	0.800271
XLOC_001366	RHCE	chr1:25664788-25747363	0.267408	0.306865	0.198562	1
XLOC_014476	CRYBB2	chr22:25615611-25627836	7.04757	8.08782	0.198625	0.890355
XLOC_002660	NOLC1	chr10:103911932-1039236:	23.0105	26.4071	0.198634	0.767868
XLOC_000536	CDC14A	chr1:100818022-10098583:	0.910593	1.04502	0.19865	0.885624
XLOC_001075	SRP9	chr1:225965514-22597816:	118.138	135.59	0.198782	0.768425
XLOC_004353	PPP1CA	chr11:67159422-67169376	203.044	233.04	0.198786	0.780656
XLOC_006282	BCL2L2,BCL2L2-PABPN1,P	chr14:23775970-23795394	112.852	129.527	0.198825	0.790956

XLOC_021422	NCAPG2	chr7:158424002-158497520	9.96461	11.4376	0.198901	0.771346
XLOC_016557	FNIP2	chr4:159690181-159956333	0.326056	0.374261	0.198924	0.920064
XLOC_000973	ELF3	chr1:201979689-201986315	0.0570453	0.0654798	0.198941	1
XLOC_003237	TSPAN4	chr11:842823-867116	49.8047	57.1692	0.198955	0.774949
XLOC_011034	BCL2L12	chr19:50162825-50177173	40.0733	45.9991	0.198964	0.914503
XLOC_000146	PQLC2	chr1:19638739-19655794	26.7286	30.6834	0.199071	0.791478
XLOC_003634	BANF1	chr11:65764015-65771617	248.333	285.077	0.199074	0.80121
XLOC_015957	TOPBP1	chr3:133319448-133380737	6.43996	7.39383	0.199271	0.776743
XLOC_017349	PAIP2	chr5:138677518-138719035	45.8652	52.6629	0.199389	0.762454
XLOC_001110	KCNK1	chr1:233749749-233808255	13.8799	15.9373	0.199411	0.786957
XLOC_018519	TNFAIP3	chr6:138144806-138204457	0.692454	0.795178	0.199558	0.908114
XLOC_012782	ADAM17	chr2:9629410-9695917	3.18934	3.66293	0.199741	0.827718
XLOC_018612	GMDS	chr6:1624034-2245868	19.9155	22.8747	0.199861	0.794777
XLOC_010394	VPS4B	chr18:61056424-61089752	5.712	6.5618	0.200095	0.801827
XLOC_010861	PSMC4	chr19:40476911-40487671	45.2991	52.0391	0.200114	0.756026
XLOC_002221	JMJD4	chr1:227916239-227968937	16.583	19.0517	0.200219	0.918342
XLOC_008475	NDUFAB1	chr16:23592334-23607639	165.317	189.931	0.200233	0.755939
XLOC_011943	LILRA6	chr19:54740468-54746724	0.0379278	0.0435769	0.200309	1
XLOC_023136	SURF4	chr9:136228339-136242970	161.538	185.599	0.200322	0.772073
XLOC_008795	TXNDC17	chr17:6481644-6554954	32.0121	36.7804	0.200322	0.816305
XLOC_003694	IL18BB	chr11:71709957-71823822	1.17874	1.35433	0.200342	0.984917
XLOC_010964	SAE1	chr19:47634079-47713893	65.1252	74.8352	0.200502	0.772137
XLOC_010922	PVR	chr19:45147097-45169428	16.1135	18.5183	0.200684	0.772137
XLOC_022707	CBWD1	chr9:121037-179075	9.14672	10.5125	0.20078	0.807058
XLOC_018464	KPNA5	chr6:117002366-117063030	0.643463	0.739585	0.200858	0.919892
XLOC_009039	PSMD3	chr17:38137020-38154213	84.4168	97.0293	0.200889	0.762454
XLOC_005880	GTF2F2	chr13:45694630-45858239	23.0082	26.4472	0.200963	0.776981
XLOC_008020	ATXN2L	chr16:28834368-28848558	48.1863	55.3885	0.200965	0.757982
XLOC_002903	MARCH8	chr10:45952816-46090354	0.735721	0.845714	0.201012	0.926225
XLOC_016165	TMEM175	chr4:926261-952443	7.11588	8.18008	0.201073	0.858563
XLOC_023330	TSPAN7	chrX:38420730-38548172	0.679889	0.781583	0.2011	0.933023
XLOC_002484	HNRNPH3	chr10:70042416-70102953	36.2905	41.7205	0.201164	0.765568
XLOC_020788	NDUFB2	chr7:140395135-140406444	363.68	418.124	0.201258	0.766627
XLOC_006822	WDHD1	chr14:55405655-55493819	2.41333	2.77473	0.201325	0.809136
XLOC_002331	RBM17	chr10:6130948-6159422	34.2871	39.4227	0.201361	0.767585
XLOC_012918	SMEK2	chr2:55775513-55844796	6.61514	7.60706	0.201567	0.773641
XLOC_004516	EXPH5	chr11:108376157-10846437	0.254578	0.292752	0.201567	1
XLOC_015151	IL17RB	chr3:53880576-53899827	3.00743	3.45891	0.201784	0.863051
XLOC_018397	MRAP2	chr6:84743419-84800605	1.26795	1.4583	0.201784	0.90316
XLOC_018756	ATP6V1G2,DDX39B	chr6:31496738-31514625	145.798	167.687	0.201796	0.764707
XLOC_000859	MPZL1	chr1:167691186-167761155	14.4333	16.6011	0.20188	0.753531
XLOC_010258	NFATC1	chr18:77155771-77289323	3.10521	3.57162	0.201891	0.865541
XLOC_012755	ATG4B	chr2:242577026-242613277	23.9466	27.5455	0.201994	0.75896
XLOC_023345	RP2	chrX:46696346-46741791	1.17119	1.34722	0.202009	0.874082
XLOC_017288	SNX24	chr5:122181159-122344907	11.2987	12.997	0.202026	0.799188
XLOC_000482	RPF1	chr1:84944919-84972262	19.856	22.8406	0.202028	0.935939
XLOC_001263	SRM	chr1:11114648-11120091	163.028	187.556	0.202199	0.75896
XLOC_002531	DLGS-AS1	chr10:79686569-79689583	0.804281	0.925339	0.202282	0.914199
XLOC_018493	L3MBTL3	chr6:130339727-130462594	1.0901	1.25418	0.202287	0.869771
XLOC_000341	DPH2	chr1:44435652-44439043	20.7484	23.8723	0.202339	0.773127
XLOC_007394	TICRR	chr15:90118817-90198682	3.49327	4.01936	0.202389	0.877191
XLOC_015378	PLS1	chr3:142315228-142432505	3.27042	3.76296	0.202392	0.807864
XLOC_0021633	RDH10	chr8:74206836-74237520	4.16934	4.79743	0.202441	0.81082
XLOC_016820	SCD5	chr4:83550689-83720010	13.962	16.0655	0.202456	0.771544
XLOC_015367	MRPS22	chr3:139062860-139075887	42.2064	48.565	0.202457	0.762225
XLOC_016601	TLR3	chr4:186990308-187006257	0.198973	0.228955	0.20249	1
XLOC_022500	FAM206A	chr9:111696672-111703237	18.003	20.716	0.202514	0.767103
XLOC_010637	CD97	chr19:14491955-14519537	24.8243	28.5659	0.202542	0.762454
XLOC_012808	SDC1	chr2:20400557-20425194	24.3044	27.97	0.202663	0.761735
XLOC_013317	WDR12	chr2:203745322-203776945	14.1994	16.3412	0.202681	0.766011
XLOC_000662	FAM91A2,LINC00623	chr1:149576261-149672737	4.58046	5.27202	0.202863	0.896032
XLOC_012199	COMMD1	chr2:62132802-62363205	24.2829	27.9512	0.202973	0.819258
XLOC_022028	COP5	chr8:67955314-67974562	60.4214	69.5492	0.202975	0.751328
XLOC_013546	SEC23B	chr20:18488187-18542059	10.8806	12.5245	0.203	0.77234
XLOC_001864	SLC39A1	chr1:153931574-153950457	114.621	131.952	0.203142	0.88922
XLOC_016511	RAB33B	chr4:140374960-140397065	1.3735	1.58158	0.203508	0.867513
XLOC_008097	PAPD5	chr16:50186828-50269219	1.3874	1.5976	0.203523	0.814226
XLOC_018300	RPL7L1	chr6:42847670-42854731	15.3983	17.7316	0.203549	0.80323
XLOC_012584	NDUFB3	chr2:201936461-201950477	61.4098	70.7177	0.203601	0.760508
XLOC_014667	MICAL3	chr22:18270415-18507325	3.66948	4.22579	0.203647	0.782228
XLOC_011323	SIRT6	chr19:4174105-4182596	27.156	31.2747	0.203726	0.786575
XLOC_023100	TRUB2	chr9:131071395-131084697	66.47	76.5554	0.203802	0.757896
XLOC_014856	CENPM	chr22:42334740-42343148	34.0008	39.1663	0.204043	0.79485
XLOC_022951	FANCC	chr9:97861335-98079991	3.28446	3.78344	0.204043	0.823658
XLOC_005761	RSRC2	chr12:122989189-12301155	20.8679	24.039	0.204093	0.761735
XLOC_002113	PTPN7	chr1:202116140-202130711	25.3297	29.1805	0.204173	0.75208
XLOC_005408	VDR	chr12:48235319-48298814	1.35623	1.56249	0.204242	0.863259
XLOC_000041	ARHGEP16	chr1:3371146-3397677	12.3755	14.2578	0.204265	0.789117
XLOC_017453	TTC1	chr5:159436179-159492550	40.8509	47.0645	0.204271	0.758036

XLOC_017435	MFAP3	chr5:153418518-153437014	2.75572	3.17502	0.204338	0.806843
XLOC_001350	E2F2	chr1:23832919-23857712	2.56341	2.95361	0.204416	0.827026
XLOC_020494	MRPS17	chr7:56019610-56023033	62.9105	72.4879	0.20444	0.774623
XLOC_017161	SLC30A5	chr5:68389775-68426899	5.37005	6.18836	0.204621	0.813829
XLOC_017977	DBN1	chr5:176883613-176900694	99.7958	115.008	0.204682	0.753148
XLOC_023355	TIMP1	chrX:47420498-47479256	522.462	602.173	0.204852	0.793408
XLOC_016541	MND1	chr4:154265800-154336241	33.5083	38.6231	0.204947	0.780271
XLOC_016603	CYP4V2	chr4:187112673-187134617	0.938588	1.08192	0.205024	0.877159
XLOC_001659	DNTTIP2	chr1:94335013-94344762	16.8326	19.4051	0.205174	0.755527
XLOC_021855	PPP1R3B	chr8:8993763-9009152	15.8194	18.2382	0.20527	0.760508
XLOC_009103	TMUB2	chr17:42264353-42269099	10.9578	12.6339	0.205346	0.799255
XLOC_011404	ZNF562	chr19:9759337-9785776	3.19029	3.6787	0.205507	0.774623
XLOC_017985	NHP2	chr5:177576464-177580961	227.631	262.519	0.205722	0.749883
XLOC_000307	SMAP2	chr1:40839377-40888998	14.6594	16.9068	0.205785	0.771117
XLOC_0011457	TNPO2	chr19:12810007-12834810	12.7475	14.7025	0.205845	0.760829
XLOC_002490	DDX21	chr10:70715878-70744825	24.2734	27.9966	0.205877	0.758132
XLOC_022567	RALGPS1	chr9:129677052-129985444	0.875739	1.01022	0.206101	0.917325
XLOC_020902	MAD1L1	chr7:1855427-2272583	8.67177	10.0043	0.206218	0.792555
XLOC_005410	SENP1	chr12:48436680-48540187	3.10947	3.58742	0.206278	0.972601
XLOC_002071	ARPC5	chr1:183595327-183605076	29.0386	33.5025	0.2063	0.749335
XLOC_009051	KRTAP4-7	chr17:39240458-39241396	0.266367	0.307347	0.206453	1
XLOC_022825	HINT2	chr9:35812956-35815042	17.3553	20.0262	0.206508	0.851868
XLOC_016253	LAP3	chr4:17578926-17609590	24.046	27.7473	0.206548	0.750689
XLOC_016786	ANKRD17	chr4:73940501-74124502	5.29837	6.11423	0.206622	0.747687
XLOC_001540	DMRTA2	chr1:50883222-50889119	6.39792	7.38309	0.206623	0.838876
XLOC_012532	HOXD1	chr2:177037923-177055631	0.127917	0.147627	0.206743	1
XLOC_001099	GALNT1	chr1:230202955-230417871	8.86276	10.229	0.206837	0.764908
XLOC_008675	MLKL2	chr16:74705752-74734789	6.68268	7.71289	0.206844	0.815706
XLOC_013637	RPN2	chr20:35729628-35870025	84.0589	97.0207	0.206892	0.747687
XLOC_003582	FERMT3	chr11:63974151-63993726	0.37763	0.435868	0.206917	0.985921
XLOC_018060	NOL7	chr6:13615558-13621127	109.065	125.886	0.20693	0.749584
XLOC_011210	ZNF71	chr19:57106663-57135544	3.88814	4.488	0.206993	0.837208
XLOC_013961	TTI1	chr20:36611422-36661833	5.27735	6.09197	0.207097	0.781066
XLOC_017516	TMED9	chr5:177019212-177023095	180.032	207.827	0.207129	0.754753
XLOC_009979	MRPL38	chr17:73894723-73901181	94.41	108.994	0.207234	0.746953
XLOC_002797	TUBAL3	chr10:5435060-5446793	0.915661	1.0572	0.207361	0.923894
XLOC_018056	HIVEP1	chr6:12012723-12165232	0.209205	0.241549	0.207398	1
XLOC_023091	DPM2	chr9:130697373-130700763	140.672	162.428	0.207468	0.749584
XLOC_015202	ARL13B	chr3:93698982-93774522	0.701101	0.80955	0.207498	0.897007
XLOC_013956	RBL1	chr20:35626177-35724410	0.587017	0.677843	0.207549	0.894299
XLOC_008554	SHCBP1	chr16:46614467-46655311	5.3586	6.18792	0.2076	0.778392
XLOC_012202	EHBP1	chr2:62909985-63275656	2.17008	2.50593	0.207601	0.81082
XLOC_008391	ADCY9	chr16:4012649-4166186	1.34551	1.55392	0.207758	0.845974
XLOC_001080	PSEN2	chr1:227058272-227083804	5.81212	6.71277	0.207844	0.827184
XLOC_009530	PEMT	chr17:17408876-17495017	65.3231	75.4535	0.207995	0.759977
XLOC_007604	ADAM10	chr15:58888509-59042177	2.43542	2.81312	0.208002	0.817735
XLOC_013346	BARD1	chr2:215593274-215674421	0.220377	0.254565	0.208059	1
XLOC_018251	UHRF1BP1	chr6:34759793-34845291	3.20153	3.6983	0.208101	0.774943
XLOC_006829	EXOC5	chr14:57669193-57756797	3.15429	3.64374	0.208105	0.829181
XLOC_003845	UBE4A	chr11:118230295-11828953	5.86816	6.77876	0.208113	0.952216
XLOC_019135	KATNA1	chr6:149916010-149969941	11.4963	13.2803	0.208115	0.77414
XLOC_004480	CCDC82	chr11:96085928-96123083	1.94164	2.24315	0.208251	0.845974
XLOC_006054	SLC7A1	chr13:30083550-30169825	16.492	19.0542	0.20834	0.76182
XLOC_004082	BTBD10	chr11:13409555-13484838	9.72918	11.2407	0.208345	0.771183
XLOC_010129	SEH1L	chr18:12947982-12987536	21.04	24.3129	0.208588	0.772924
XLOC_012397	ACTR3	chr2:114647536-114716161	39.4542	45.5932	0.208638	0.738943
XLOC_000677	TARS2	chr1:150459839-150480081	25.6499	29.641	0.208643	0.754842
XLOC_015457	MFN1	chr3:179065479-179111001	5.76401	6.66108	0.208681	0.778996
XLOC_000633	SEC22B	chr1:145096406-145116997	11.887	13.7375	0.208726	0.782917
XLOC_002966	DNA2	chr10:70173820-70231730	1.03844	1.20018	0.208825	0.86815
XLOC_004403	C2CD3	chr11:73745479-73882064	0.264777	0.306037	0.20893	1
XLOC_001711	WDR77	chr1:111982511-112004521	14.651	16.9351	0.209015	0.954559
XLOC_023786	EIF1AX	chrX:20142635-20159966	28.3394	32.7617	0.209202	0.737375
XLOC_001729	BCAS2	chr1:115110180-115124261	22.8796	26.4501	0.20921	0.760508
XLOC_004130	IMMP1L	chr11:31391376-31531169	4.55172	5.26228	0.209277	0.948088
XLOC_008503	HIRIP3	chr16:30003641-30007417	9.60991	11.1102	0.209288	0.807864
XLOC_008835	TMEM88	chr17:7758383-7759417	1.23504	1.42787	0.209301	0.957925
XLOC_009634	CCL3L1	chr17:3452267-34524156	0.267415	0.309185	0.20939	1
XLOC_015727	MON1A	chr3:49946301-49967445	10.2927	11.9026	0.209654	0.819083
XLOC_007573	GABPB1	chr15:50569388-50650503	7.1519	8.27061	0.209667	0.859289
XLOC_005834	POMP	chr13:29233140-29253093	83.2483	96.2815	0.209839	0.742065
XLOC_001868	TPM3	chr1:154127779-154164601	67.1267	77.6458	0.21002	0.736403
XLOC_012852	TRMT61B	chr2:29033699-29093175	8.38743	9.70197	0.210049	0.790283
XLOC_021073	CHCHD2	chr7:56169265-56174187	748.882	866.269	0.210078	0.755364
XLOC_000184	NIPAL3	chr1:24742244-24799473	5.90944	6.83596	0.210122	0.752508
XLOC_021509	LOC286059	chr8:22844929-22941132	0.0467631	0.0540994	0.210241	1
XLOC_016098	ETV5	chr3:185764105-185826901	12.5685	14.5412	0.210336	0.762454
XLOC_006506	IFI27	chr14:94577078-94583033	40.1004	46.395	0.210354	0.794886
XLOC_016995	SH3RF1	chr4:170015406-170192241	1.81829	2.10374	0.210374	0.820463

XLOC_023323	PRRG1	chrX:37208527-37316548	1.99367	2.30678	0.210453	0.879994
XLOC_016595	CCDC111	chr4:185570766-18565528	2.25769	2.61251	0.210587	0.961237
XLOC_008628	ENKD1	chr16:67696849-67700628	1.91297	2.21389	0.210768	0.917363
XLOC_017563	IRX2	chr5:2746278-2751769	7.44411	8.61514	0.210774	0.827919
XLOC_018799	HLA-DOB	chr6:32780539-32784825	0.0737252	0.0853289	0.210876	1
XLOC_010269	YES1	chr18:721591-812327	8.90727	10.3104	0.211038	0.738229
XLOC_015342	DNAJC13	chr3:132136552-13225787	2.35363	2.72442	0.211061	0.774191
XLOC_021790	GPAA1	chr8:145137523-14514111	127.687	147.804	0.211078	0.739331
XLOC_005486	RARG	chr12:53604349-53626040	8.93044	10.3377	0.211105	0.792482
XLOC_022597	LRRC8A	chr9:131644390-131680317	12.9922	15.0402	0.211179	0.746773
XLOC_002526	SAMD8	chr10:76871392-76941881	3.32721	3.85174	0.211199	0.761735
XLOC_021858	RP1L1	chr8:10463859-10512617	0.00979754	0.0113422	0.211209	1
XLOC_021214	TSC22D4	chr7:100064141-10007690	44.3844	51.3824	0.211222	0.738462
XLOC_005568	LLPH	chr12:66516848-66524533	52.1083	60.3259	0.211264	0.732063
XLOC_012502	SSB	chr2:170655321-17068135	44.2729	51.2552	0.211273	0.829179
XLOC_002058	ACBD6	chr1:180257351-18047202	28.0094	32.4283	0.211346	0.746863
XLOC_008611	NAE1	chr16:66836780-66864879	39.681	45.9461	0.211493	0.738368
XLOC_009528	COP3	chr17:17149937-17184617	39.5047	45.7471	0.211656	0.728698
XLOC_022706	FOXO4	chr9:116230-118417	1.04654	1.212	0.211762	0.929478
XLOC_005455	GALNT6	chr12:51745832-51909547	13.9502	16.1563	0.211807	0.777255
XLOC_011261	C2CD4C	chr19:405442-409170	9.75192	11.2941	0.211812	0.80323
XLOC_020364	C7orf26	chr7:6629914-6648355	19.7819	22.9114	0.211885	0.771029
XLOC_018608	TBP	chr6:170863420-17088195	9.19375	10.6485	0.211918	0.785396
XLOC_011845	FUZ	chr19:50270179-50316567	2.41548	2.7977	0.211929	0.986822
XLOC_004825	TUBA1C	chr12:49658864-49667113	460.284	533.124	0.211948	0.754654
XLOC_007622	FAM96A	chr15:64364760-64386207	50.7522	58.7886	0.212065	0.736467
XLOC_002878	ITGB1	chr10:33189245-33247293	301.669	349.451	0.212126	0.778305
XLOC_002339	TFP3	chr10:7860466-8057016	2.45772	2.84706	0.212157	0.830321
XLOC_015069	LARS2	chr3:45430074-45590328	5.08383	5.88956	0.212245	0.774709
XLOC_023748	HDHD1	chrX:6966960-7066231	12.0319	13.9404	0.212399	0.76443
XLOC_021910	TNFRSF10B	chr8:22844929-22941132	36.4969	42.2882	0.212482	0.760508
XLOC_012902	MCFD2	chr2:47129008-47303275	22.0084	25.501	0.212498	0.773635
XLOC_003877	UBASH3B	chr11:122526397-1226851	1.6842	1.95155	0.212561	0.806888
XLOC_001801	ENSA	chr1:150594598-15060209	138.181	160.124	0.212627	0.75896
XLOC_018653	DTNBP1	chr6:15523031-15663289	22.3423	25.8903	0.212639	0.760508
XLOC_015745	RRP9	chr3:51967441-51975957	68.6707	79.5772	0.21266	0.732989
XLOC_017839	ETF1	chr5:137841781-13787898	29.4476	34.1252	0.212687	0.739919
XLOC_015878	KIAA1407	chr3:113682983-11377546	0.209338	0.242601	0.21275	1
XLOC_012168	CRIP1	chr2:46844324-46852881	7.16184	8.30042	0.212854	0.797088
XLOC_006372	NAA30	chr14:57857270-57879466	3.38864	3.92745	0.212887	0.790283
XLOC_013827	FASTKD5,UBOX5	chr20:3087556-3140556	10.6662	12.3623	0.212896	0.754842
XLOC_010369	CXXC1	chr18:47808712-47814692	21.927	25.4153	0.212989	0.740319
XLOC_008708	C16orf74	chr16:85741123-85784689	49.7175	57.6399	0.213313	0.762614
XLOC_001717	ST7L	chr1:113066140-11316204	3.21674	3.72957	0.213407	0.835119
XLOC_003019	TMEM254-AS1	chr10:81805988-81852307	0.0256828	0.0297786	0.213474	1
XLOC_005765	VPS37B	chr12:123349874-1233807	42.8119	49.6416	0.213536	0.728767
XLOC_009502	SCO1	chr17:10583648-10600885	16.9255	19.628	0.213716	0.75896
XLOC_018432	C6orf203	chr6:107349406-10737254	13.3223	15.4495	0.213718	0.796177
XLOC_005996	ATP11A	chr13:113344642-1135414	1.97969	2.29587	0.213768	0.780271
XLOC_014831	CXB6	chr22:39260247-39268258	5.56318	6.45212	0.213864	0.818284
XLOC_016539	FHDC1	chr4:153864134-15390084	0.343601	0.398532	0.213964	0.906895
XLOC_018628	RPP40	chr6:4995279-5004271	9.38087	10.8815	0.214085	0.815706
XLOC_011732	SMG9	chr19:44235300-44259142	33.8027	39.2107	0.214105	0.728031
XLOC_009894	INTS2	chr17:59942727-60005377	1.55599	1.80493	0.214112	0.811724
XLOC_023049	TTL11	chr9:124584203-12485588	2.14703	2.49055	0.21412	0.899051
XLOC_001418	SPOCD1	chr1:32256024-32281580	12.9458	15.0179	0.214196	0.74078
XLOC_013597	MAPRE1	chr20:31407698-31438211	24.5485	28.4786	0.214244	0.726592
XLOC_022239	FBXL6	chr8:145579087-14558218	51.6963	59.9788	0.214392	0.735667
XLOC_022837	TOMM5	chr9:37588411-37592636	101.248	117.473	0.214441	0.735885
XLOC_004606	ESAM	chr11:124623018-1246322	9.88746	11.4725	0.214513	0.783569
XLOC_023830	NDUFB1	chrX:47001614-47004609	129.028	149.725	0.214634	0.730513
XLOC_008508	GDPD3	chr16:30116130-30124878	1.65471	1.92018	0.21466	0.919413
XLOC_007231	FAM63B	chr15:59063392-59149734	0.423508	0.491483	0.214754	0.900578
XLOC_005385	GXYLT1	chr12:42475647-42538673	1.40982	1.63611	0.214764	0.794777
XLOC_007903	MMP25	chr16:3096681-3110724	2.7032	3.1372	0.214808	0.855026
XLOC_018634	SSR1	chr6:7281287-7313541	9.23801	10.7212	0.214817	0.73891
XLOC_006140	NEK3	chr13:52706778-52733996	8.03303	9.32284	0.214824	0.769558
XLOC_009012	TADA2A	chr17:35766976-35837226	3.53684	4.10482	0.214857	0.85843
XLOC_002569	PAPSS2	chr10:89419475-89507462	0.143355	0.166387	0.214946	1
XLOC_012422	UGGT1	chr2:128848753-12895324	3.60618	4.18594	0.215082	0.738943
XLOC_020448	STARD3NL	chr7:38217807-38270272	11.2613	13.0717	0.215082	0.774949
XLOC_021548	ERLIN2	chr8:37594096-37615319	4.20133	4.87705	0.215162	0.76422
XLOC_015032	SNORA62	chr3:39448203-39454032	5.9025	6.85255	0.215315	0.991767
XLOC_001141	EFCAB2	chr1:245133170-24528853	1.72585	2.00371	0.215373	0.903682
XLOC_006909	POMT2	chr14:77741298-77787225	2.8302	3.28605	0.215452	0.797849
XLOC_016130	LSG1	chr3:194361516-19439320	6.997	8.12442	0.215529	0.742477
XLOC_018222	EGLFL8,PPT2	chr6:32120578-32145888	36.9954	42.9572	0.215555	0.887208
XLOC_007691	SCAMP2	chr15:75137196-75165670	38.1675	44.325	0.215778	0.741805
XLOC_009781	GJC1	chr17:42875815-42908179	7.96612	9.25165	0.215833	0.740319

XLOC_003134	SMNDC1	chr10:112052797-11206470	44.9223	52.172	0.215845	0.718824
XLOC_016817	HNRPD1	chr4:83343716-83351378	43.4742	50.4928	0.215919	0.729625
XLOC_010496	CCDC94	chr19:4247110-4269085	19.5343	22.6886	0.215958	0.774623
XLOC_007828	PIGQ	chr16:619967-634136	33.4217	38.8215	0.21607	0.721145
XLOC_015203	NSUN3	chr3:93776765-93845630	1.32548	1.53973	0.216156	0.945946
XLOC_006487	PSMC1	chr14:90722893-90738966	76.8957	89.3249	0.216159	0.726892
XLOC_016567	KLHL2	chr4:166128769-166244308	2.46639	2.86518	0.216228	0.819455
XLOC_018774	HSPA1L	chr6:31777395-31782835	0.13522	0.157105	0.216423	1
XLOC_020790	AGK	chr7:141251077-141354208	10.4173	12.104	0.216507	0.746516
XLOC_022274	CD274	chr9:5450502-5470567	1.02209	1.18759	0.21651	0.865806
XLOC_023849	GRIPAP1	chrX:48830133-48858675	10.7848	12.5314	0.216548	0.746092
XLOC_017586	ZNF622	chr5:16451627-16465894	30.5154	35.4615	0.216719	0.733705
XLOC_017610	LMBRD2	chr5:36103413-36152015	0.309539	0.359742	0.216843	0.923433
XLOC_017279	HSD17B4	chr5:118788137-118878030	11.1196	12.9238	0.216922	0.731968
XLOC_018650	GFOD1	chr6:13363586-13487869	1.24069	1.44201	0.21694	0.894976
XLOC_002813	USP6NL	chr10:11502508-11653679	2.98105	3.46492	0.217003	0.790283
XLOC_013937	GSS	chr20:33516235-33543601	62.1508	72.2418	0.217062	0.721145
XLOC_010043	ARHGDI1A	chr17:79825596-79829282	260.766	303.115	0.217106	0.728698
XLOC_001412	SNRNP40	chr1:31732414-31769644	36.3164	42.2155	0.21715	0.729713
XLOC_004768	PYROXD1	chr12:21590537-21654603	2.66585	3.09976	0.217559	0.926446
XLOC_005678	SART3	chr12:108915990-10895510	11.1082	12.9166	0.217601	0.721145
XLOC_005640	CDK17	chr12:96672038-96794366	10.3257	12.0073	0.217672	0.734493
XLOC_022263	SMARCA2	chr9:2015341-2193623	4.57807	5.32387	0.217734	0.740319
XLOC_021745	TRIB1	chr8:126442562-126450644	18.3798	21.3742	0.217744	0.721145
XLOC_006857	MAX	chr14:65381078-65569413	35.3336	41.0909	0.217778	0.917325
XLOC_005553	AVIL	chr12:58176527-58209852	0.239392	0.278439	0.217988	1
XLOC_022332	RUSC2	chr9:35490006-35563896	9.3977	10.9319	0.218168	0.735443
XLOC_015097	ARIH2	chr3:48955220-49022971	16.8507	19.6024	0.218216	0.717812
XLOC_000470	FAM73A	chr1:78245308-78345225	1.01304	1.17857	0.218336	0.825249
XLOC_014991	CMC1	chr3:28283123-28361263	42.7218	49.7029	0.218355	0.759668
XLOC_010418	TXNL4A	chr18:77732866-77748532	71.2739	82.924	0.218416	0.714136
XLOC_009148	ATP5G1	chr17:46970147-46973232	167.377	194.736	0.218417	0.724523
XLOC_007575	USP50	chr15:50716578-50838902	0.828073	0.963543	0.218592	0.987627
XLOC_001458	GNL2	chr1:3802519-38061586	28.2021	32.8173	0.218655	0.714136
XLOC_000638	ANKRD34A	chr1:145470507-145475647	1.83364	2.13384	0.218744	0.863467
XLOC_011354	KHSRP	chr19:6413118-6424822	58.3312	67.8828	0.21878	0.716391
XLOC_012347	TMEM182	chr2:103378489-103434138	0.635133	0.739198	0.218901	0.892588
XLOC_009834	SPOP	chr17:47676245-47755525	12.1504	14.1413	0.218909	0.730493
XLOC_010354	HDHD2	chr18:44633780-44676871	3.83849	4.46748	0.21892	0.816822
XLOC_022631	CEL	chr9:135937364-135947250	0.817806	0.951856	0.218985	0.918898
XLOC_019100	BCLAF1	chr6:136578000-136610988	9.04101	10.5232	0.219012	0.725528
XLOC_007647	SNAPC5	chr15:66679210-66790146	7.85429	9.14309	0.219201	0.979733
XLOC_022578	SLC25A25	chr9:130830478-130871537	15.6895	18.2646	0.219246	0.716391
XLOC_000543	ACTG1P4	chr1:104068577-104122148	0.0522166	0.0607881	0.21928	1
XLOC_013375	ATG9A	chr2:220084101-220094367	25.1703	29.3022	0.219286	0.717812
XLOC_021005	NT5C3	chr7:33053724-33102409	14.8525	17.2912	0.219334	0.73642
XLOC_013361	USP37	chr2:219314973-219433084	1.18753	1.38255	0.219377	0.792482
XLOC_011545	TMEM161A	chr19:19230424-19249310	48.9431	56.9841	0.219453	0.723605
XLOC_017000	AADAT	chr4:170981372-171011372	5.80209	6.75548	0.219486	0.776787
XLOC_011955	RDH13	chr19:55555691-55580914	8.46562	9.8571	0.219547	0.805637
XLOC_020380	BZW2	chr7:16685758-16746148	78.0462	90.8761	0.219573	0.716012
XLOC_001632	DDAH1	chr1:85784167-86044046	18.791	21.8806	0.219609	0.71659
XLOC_004754	MGST1	chr12:16500075-16530123	137.601	160.243	0.219763	0.721117
XLOC_003909	FOXRED1	chr11:126138934-12614802	24.8669	28.9619	0.219932	0.735667
XLOC_023367	EBP	chrX:48380163-48387104	70.5832	82.2125	0.220034	0.719177
XLOC_006126	SPRYD7	chr13:50486841-50510625	5.58702	6.50785	0.220103	0.751467
XLOC_022900	GKAP1	chr9:86354335-86432752	2.50867	2.92224	0.220153	0.8586
XLOC_018892	MRPS18A	chr6:43638933-43655549	64.9484	75.6569	0.220177	0.718396
XLOC_009107	C17orf104	chr17:42733761-42753165	0.0798814	0.0930521	0.220179	1
XLOC_017454	FABP6	chr5:159614373-159665728	12.1077	14.1042	0.220205	0.844212
XLOC_008150	USB1	chr16:58035276-58055527	28.775	33.5201	0.220209	0.721145
XLOC_004425	RSF1	chr11:77377273-77531880	2.08287	2.42647	0.220282	0.786806
XLOC_022218	MROH6	chr8:144648362-144654928	4.18362	4.8739	0.220325	0.830816
XLOC_022338	RGP1	chr9:35749276-35754274	1.45192	1.69149	0.220338	0.926423
XLOC_002823	FAM107B	chr10:14560558-14816896	7.59534	8.84887	0.220378	0.751467
XLOC_016328	PAICS	chr4:57301914-57327534	93.1464	108.536	0.220606	0.720701
XLOC_002550	GHITM	chr10:85899184-85913311	80.4466	93.7395	0.220627	0.731519
XLOC_018819	LEM2	chr6:33738989-33756906	28.0886	32.731	0.220671	0.721195
XLOC_012665	GMPPA	chr2:220363586-220371718	29.2956	34.1378	0.220683	0.716439
XLOC_007919	DNAJA3	chr16:4475805-4506775	35.2242	41.0463	0.220685	0.71532
XLOC_010945	VASP	chr19:46010687-46030240	59.7038	69.5725	0.220695	0.714085
XLOC_002808	KIN	chr10:7792924-7829990	1.78301	2.07787	0.220787	0.802407
XLOC_006264	METTL17	chr14:21457964-21465194	38.3184	44.6628	0.221038	0.716063
XLOC_008601	SLC38A7	chr16:58700297-58718674	2.07261	2.41589	0.221106	0.854683
XLOC_001043	FLVCR1	chr1:213031596-213072708	2.80512	3.2701	0.221271	0.764908
XLOC_016609	FRG1	chr4:190861973-190884358	30.6771	35.7643	0.221358	0.724424
XLOC_002633	R3HCC1L	chr10:99894380-100004654	6.5259	7.60823	0.221384	0.801827
XLOC_016561	TMA16	chr4:164415672-164441697	10.6177	12.3795	0.221482	0.752993
XLOC_023780	MAP3K15	chrX:19362010-19533379	0.69206	0.806913	0.221516	0.987693

XLOC_002849	PIP4K2A	chr10:22823765-23003503	7.291	8.50131	0.221567	0.736907
XLOC_022803	ARID3C	chr9:34621454-34628011	0.17646	0.20576	0.221627	1
XLOC_004451	CTSC	chr11:88026759-88070941	45.4824	53.0413	0.221807	0.772137
XLOC_014238	HSPA13	chr21:15743436-15755509	6.88489	8.0294	0.221858	0.736907
XLOC_020742	LOC100130705	chr7:128506463-12851210	0.940742	1.09714	0.221873	0.89933
XLOC_018418	UFL1	chr6:96969701-97003151	3.92919	4.58243	0.221882	0.750955
XLOC_003335	MICAL2	chr11:12132137-12285331	4.09293	4.77343	0.221894	0.786958
XLOC_008710	EMC8	chr16:85812230-85833148	27.8391	32.4678	0.221897	0.724741
XLOC_002677	PDCD11	chr10:105156411-1052060	9.47097	11.0469	0.222054	0.71659
XLOC_015162	PXK	chr3:58318616-58410878	1.87895	2.19172	0.222134	0.865379
XLOC_021584	MGM4	chr8:48872762-48890719	37.8769	44.1831	0.222178	0.716012
XLOC_002737	DMBT1	chr10:124320180-1244032	0.044279	0.0516524	0.222211	1
XLOC_024071	ZNF280C	chrX:129336672-12940292	1.60495	1.8723	0.222282	0.814366
XLOC_002763	PPP2R2D	chr10:133747959-1337700	12.6802	14.7928	0.222313	0.761947
XLOC_003581	STIP1	chr11:63953586-63972020	134.137	156.491	0.222376	0.720523
XLOC_003097	NDUFB8	chr10:102283496-1022896	246.904	288.071	0.222473	0.713567
XLOC_020403	NFE2L3	chr7:26191846-26226756	3.31636	3.86941	0.222514	0.784978
XLOC_010660	RAB8A	chr19:16222489-16244445	27.6731	32.294	0.222781	0.713826
XLOC_020564	POR	chr7:75544419-75623992	42.4869	49.5834	0.222839	0.804374
XLOC_002281	HNRNP1	chr1:245013601-24502782	42.9629	50.1405	0.222884	0.717812
XLOC_001757	PPIAL4G	chr1:143767143-14376788	0.0528713	0.0617088	0.22299	1
XLOC_004110	E2F8	chr11:19245609-19263202	1.22973	1.43532	0.223031	0.846101
XLOC_020637	ZKSCAN1	chr7:99613218-99635403	1.88925	2.20528	0.223153	0.789079
XLOC_021800	SLC52A2	chr8:145582216-14558494	110.044	128.461	0.22324	0.716012
XLOC_002143	LEMD1	chr1:205342379-20539121	0.0628797	0.0734059	0.223302	1
XLOC_008979	PSMD11	chr17:30771480-30810337	25.4413	29.7005	0.223317	0.701805
XLOC_005713	SLC24A6	chr12:113736570-1137729	10.8809	12.7033	0.223397	0.7424
XLOC_020470	OGDH	chr7:44646120-44748669	6.79571	7.93414	0.22345	0.73595
XLOC_016888	SEC24B-AS1	chr4:110351118-11046161	0.450475	0.526014	0.223656	0.979701
XLOC_007884	ATP6V0C	chr16:2563726-2570224	250.91	292.998	0.223721	0.697381
XLOC_015659	TMEM158	chr3:45265955-45267814	28.6361	33.4412	0.22379	0.762454
XLOC_005254	SCARNA12	chr12:7074514-7079916	9.58212	11.1904	0.223839	0.990857
XLOC_015549	SUMF1	chr3:4402828-4508966	8.18565	9.56074	0.224025	0.756805
XLOC_018121	HIST1H2AH	chr6:27114860-27115341	1.48476	1.73423	0.224067	0.959465
XLOC_002597	EXOC6	chr10:94594469-94819251	2.93462	3.42799	0.224191	0.77409
XLOC_021708	DCAF13	chr8:104410865-10445568	45.8121	53.525	0.224486	0.791404
XLOC_014850	POLR3H	chr22:41865128-41940479	20.2243	23.6299	0.224526	0.844167
XLOC_001527	ATPAF1	chr1:47100710-47134099	23.8651	27.8844	0.224555	0.719967
XLOC_003644	PPP3	chr11:66247483-66277130	15.6335	18.2674	0.224629	0.721117
XLOC_012536	RBM45	chr2:178977181-17899438	4.81362	5.62493	0.224716	0.806888
XLOC_000867	ATP1B1	chr1:169075946-16933718	8.41281	9.83136	0.224804	0.865379
XLOC_015916	SLC12A8	chr3:124801479-12493160	4.24177	4.95704	0.224815	0.774943
XLOC_005457	KRT80	chr12:52562779-52585784	0.953607	1.11447	0.224888	0.877493
XLOC_007503	RASGRP1	chr15:38780301-38857007	0.612273	0.715601	0.224979	0.871957
XLOC_009780	CCDC43	chr17:42754804-42767165	7.55859	8.83473	0.22507	0.753148
XLOC_021635	TMEM70	chr8:74888376-74895018	28.8781	33.7542	0.225092	0.703191
XLOC_001007	IKBKE	chr1:206643585-20667022	2.52657	2.95323	0.225111	0.829595
XLOC_004826	PRPH	chr12:49688908-49692481	0.0852089	0.0996058	0.225225	1
XLOC_008954	ANKRD13B	chr17:27920526-27948441	8.66823	10.1345	0.225467	0.754929
XLOC_009916	DDX5	chr17:62494373-62502484	66.5277	77.7819	0.225479	0.707294
XLOC_018009	MGAT1	chr5:180217540-18023713	31.4358	36.755	0.225532	0.707294
XLOC_000310	EXO5	chr1:40974432-40982214	3.82758	4.4755	0.225618	0.799762
XLOC_010440	WDR18	chr19:984327-994569	75.9297	88.7904	0.22574	0.701805
XLOC_014060	PSMA7	chr20:60711782-60718514	274.491	320.989	0.225764	0.708451
XLOC_013789	TPD52L2	chr20:62496580-62522898	91.7246	107.264	0.225782	0.703191
XLOC_007249	TRIP4	chr15:64680002-64747502	5.41942	6.33808	0.225909	0.782383
XLOC_003578	COX8A	chr11:63742078-63744015	929.712	1087.33	0.22594	0.712918
XLOC_004321	SYVN1	chr11:64888098-64902003	16.4995	19.2969	0.225942	0.985921
XLOC_009756	AARSD1,PTGES3L,PTGES	chr17:41102542-41132545	30.1003	35.204	0.22596	0.726641
XLOC_015481	PSMD2	chr3:184017021-18402684	290.404	339.676	0.226097	0.726571
XLOC_018231	BRD2	chr6:32936436-32949282	34.6812	40.5688	0.22622	0.701804
XLOC_017503	FAF2	chr5:175875355-17593707	10.4599	12.2381	0.226514	0.700253
XLOC_001641	GBP1	chr1:89517986-89531043	0.0360524	0.0421822	0.226539	1
XLOC_017163	CENPH	chr5:68485374-68506184	23.6535	27.6755	0.226553	0.716439
XLOC_021259	SLC26A3	chr7:107405911-10744367	0.0118119	0.0138214	0.226658	1
XLOC_000461	ACADM	chr1:76190042-76229355	9.71858	11.3721	0.226677	0.716391
XLOC_015298	PDI45	chr3:122785855-12288095	7.75619	9.07607	0.226719	0.78031
XLOC_016167	FGFR1L	chr4:1005609-1020686	12.7837	14.9616	0.226955	0.719177
XLOC_007487	SLC12A6	chr15:34517244-34630265	1.07741	1.26102	0.227015	0.965148
XLOC_001071	DEGS1	chr1:224370909-22438114	23.5068	27.5142	0.227098	0.699227
XLOC_019070	ECHDC1	chr6:127609856-12766475	19.1538	22.4191	0.227098	0.718041
XLOC_023014	INIP	chr9:115448790-11548038	5.41915	6.3432	0.227145	0.802978
XLOC_003901	STT3A	chr11:125462738-1254912	36.6187	42.8682	0.227326	0.703484
XLOC_003381	DNAJC24	chr11:31391376-31531169	2.85461	3.34189	0.22737	0.823458
XLOC_017596	DROSHA	chr5:31400601-31532282	3.6429	4.26477	0.227384	0.730282
XLOC_020359	AIMP2	chr7:6048881-6098860	11.2075	13.1214	0.227452	0.976214
XLOC_000896	CACYBP	chr1:174968570-17498116	44.3642	51.9436	0.227549	0.700037
XLOC_021182	MGC72080	chr7:97595907-97601638	13.6683	16.0034	0.227552	0.830321
XLOC_003115	ACTR1A	chr10:104238985-1042625	32.2827	37.7987	0.227577	0.701805

XLOC_019148	MTRF1L	chr6:153308399-15332392	7.49	8.77016	0.227638	0.714136
XLOC_018543	STXBP5	chr6:147162524-14771161	0.499561	0.585067	0.22794	0.833863
XLOC_009246	KPNA2	chr17:66031847-66042970	85.1737	99.7536	0.227961	0.707322
XLOC_009747	PSMC3IP	chr17:40719077-40729849	21.4533	25.1258	0.227969	0.897223
XLOC_012332	PDCL3	chr2:101179417-10119320	16.4971	19.3222	0.228042	0.747664
XLOC_021280	TSPAN12	chr7:120427373-12049817	1.35606	1.58837	0.228129	0.852163
XLOC_006668	C14orf80	chr14:105956191-1059655	16.3358	19.137	0.228326	0.778996
XLOC_008518	SEPHS2	chr16:30454951-30457224	52.5503	61.5633	0.22837	0.7131
XLOC_016259	PACRGL	chr4:20702035-20729980	2.48188	2.90789	0.228539	0.842287
XLOC_022354	TRMT10B	chr9:37753801-37778969	2.67881	3.13874	0.228592	0.822695
XLOC_010725	ZNF714	chr19:21264952-21307883	0.484377	0.567578	0.22869	0.831858
XLOC_010392	BCL2	chr18:60790578-60986613	1.9316	2.26344	0.228718	0.954441
XLOC_011051	POLD1	chr19:50887579-50921275	29.2015	34.2182	0.22872	0.688626
XLOC_014962	LSM3	chr3:14220227-14239869	104.454	122.402	0.228752	0.693648
XLOC_015000	CMTM8	chr3:32280170-32411813	14.9474	17.5175	0.228903	0.788214
XLOC_019007	COQ3	chr6:99817347-99842082	10.7543	12.6037	0.228938	0.754197
XLOC_006819	GMFB	chr14:54941208-54955744	6.69017	7.84139	0.229066	0.714805
XLOC_020274	EDEM3	chr1:184659624-18472404	0.807271	0.946234	0.229145	0.821719
XLOC_012990	RTKN	chr2:74652987-74669060	19.0754	22.3596	0.229185	0.71532
XLOC_015919	SNX4	chr3:125165487-12523905	4.8021	5.62963	0.229374	0.766612
XLOC_022638	SURF2	chr9:136223420-13622804	71.2028	83.4814	0.229522	0.703835
XLOC_008998	TAF15	chr17:34136458-34174246	64.6113	75.7552	0.229558	0.699281
XLOC_015869	ATG3	chr3:112251358-11228048	31.8731	37.3737	0.229682	0.700253
XLOC_005969	TM9SF2	chr13:100153627-1002163	14.924	17.5022	0.229901	0.701805
XLOC_003765	MED17	chr11:93517404-93546496	8.29852	9.73228	0.229924	0.723055
XLOC_021279	CTTNBP2	chr7:117350705-11751356	0.605642	0.710285	0.229933	0.855173
XLOC_013580	HM13	chr20:30102240-30161066	118.182	138.621	0.230128	0.687011
XLOC_008039	LOC440356	chr16:29875503-29879374	0.213942	0.250958	0.230226	1
XLOC_018843	PPIL1	chr6:36822605-36842800	22.4425	26.3285	0.230388	0.701805
XLOC_003930	GLB1L2	chr11:134201767-1342462	15.6282	18.335	0.230452	0.700392
XLOC_011303	SGTA	chr19:2754711-2783354	69.3076	81.3184	0.230567	0.68423
XLOC_001337	ECE1	chr1:21543739-21672034	13.646	16.0117	0.23065	0.691895
XLOC_016186	MSANTD1	chr4:3250766-3258342	0.134233	0.157517	0.23077	1
XLOC_000619	MAN1A2	chr1:117910084-11806832	0.798235	0.9367	0.230773	0.83481
XLOC_015071	SACM1L	chr3:45730753-45786900	4.81482	5.6508	0.230972	0.73891
XLOC_001501	MED8	chr1:43849578-43855483	20.038	23.5177	0.231005	0.71532
XLOC_001640	GBP3	chr1:89472359-89488549	1.65714	1.94498	0.231055	0.822993
XLOC_004214	TIMM10	chr11:57295935-57298232	57.8661	67.9197	0.23111	0.710231
XLOC_013735	RAE1	chr20:55904830-55998278	27.7783	32.6078	0.23126	0.852163
XLOC_003857	TRAPPC4	chr11:118889240-1188943	50.4731	59.2522	0.231354	0.678263
XLOC_022048	JPH1	chr8:75146938-75233562	2.78903	3.27417	0.231369	0.78079
XLOC_012175	MSH2	chr2:47630205-47710367	7.33199	8.60929	0.23169	0.711067
XLOC_007239	TLN2	chr15:62939509-63136829	1.02357	1.20196	0.231778	0.772137
XLOC_010814	LOC728752	chr19:36980528-36981942	1.17892	1.38438	0.231779	0.915375
XLOC_000078	PEX14	chr1:10535002-10690815	22.2855	26.17	0.231806	0.721145
XLOC_020523	RABGEF1	chr7:66205642-66309813	4.40826	5.1767	0.231823	0.852163
XLOC_005382	KIF21A	chr12:39687029-39837192	0.760671	0.893296	0.231866	0.820283
XLOC_016469	C4orf32	chr4:113066552-11311023	4.20511	4.93836	0.231887	0.778388
XLOC_014531	MCM5	chr22:35796115-35820495	36.6235	43.0135	0.232019	0.682259
XLOC_011754	ERCC1	chr19:45882891-45927177	217.571	255.551	0.232121	0.744243
XLOC_009136	KPNB1	chr17:45727203-45761004	36.7454	43.1601	0.232137	0.702128
XLOC_000741	IL6R	chr1:154377668-15444192	1.98695	2.33396	0.23223	0.791441
XLOC_022056	ZNF704	chr8:81540685-81787016	0.284331	0.334013	0.232335	1
XLOC_002607	HELLS	chr10:96305573-96361856	3.67694	4.31947	0.232347	0.755027
XLOC_004663	NDUF9	chr12:4758263-4796720	52.7952	62.0209	0.232349	0.688363
XLOC_007213	AP4E1	chr15:51200868-51298097	1.23265	1.44826	0.232561	0.781531
XLOC_004745	KIAA1467	chr12:13197314-13236383	1.65192	1.94104	0.232682	0.797744
XLOC_018813	DAXX	chr6:33286334-33290793	32.209	37.8462	0.232687	0.693849
XLOC_023553	PRPS1	chrX:106871653-10689425	24.286	28.5374	0.232729	0.684119
XLOC_022128	KLF10	chr8:103661004-10366798	11.532	13.551	0.232754	0.700075
XLOC_004928	SLC39A5	chr12:56623819-56652143	0.0384944	0.0452385	0.232904	1
XLOC_006679	TTC5	chr14:20757300-20774153	9.10424	10.6994	0.232923	0.746078
XLOC_004653	LOC100507424	chr12:2945981-2998691	0.609263	0.716015	0.232926	0.991866
XLOC_003413	HSD17B12	chr11:43702142-43878169	27.1792	31.9438	0.233032	0.686761
XLOC_002393	MASTL	chr10:27443752-27475848	5.97358	7.02122	0.233126	0.72508
XLOC_008627	ACD	chr16:67679029-67694718	39.539	46.4769	0.233238	0.690838
XLOC_014292	SCAF4	chr21:33043312-33104431	8.64927	10.1674	0.233303	0.707294
XLOC_017862	DIAPH1	chr5:140894587-14099862	11.2616	13.2392	0.233402	0.688314
XLOC_014554	POLR2F	chr22:38339056-38365319	33.4036	39.2703	0.233439	0.714678
XLOC_000911	TOR1AIP1	chr1:179851176-17988921	14.3265	16.8471	0.233819	0.679982
XLOC_016556	ETFDH	chr4:159593276-15962984	3.02605	3.5585	0.233834	0.80121
XLOC_004383	DHCR7	chr11:71145456-71159477	38.6681	45.474	0.233897	0.682587
XLOC_014750	AP1B1	chr22:29723668-29784572	23.439	27.5678	0.234071	0.686761
XLOC_007302	ARID3B	chr15:74833547-74890472	3.66567	4.31232	0.234387	0.764271
XLOC_010993	GRIN2D	chr19:48898131-48948188	19.3024	22.7084	0.234447	0.691625
XLOC_012487	GCA	chr2:163200582-16321914	2.51677	2.96112	0.23457	0.781917
XLOC_009833	PHB	chr17:47481419-47492242	159.754	187.968	0.234632	0.692443
XLOC_005525	TIMELESS	chr12:56810156-56843200	6.31674	7.43261	0.234688	0.705787
XLOC_006702	METTL3	chr14:21945334-21979457	12.0327	14.1584	0.2347	0.907651

XLOC_022111	HRSP12	chr8:99114566-99129418	46.0404	54.1751	0.234732	0.690479
XLOC_003431	DGKZ	chr11:46354454-46402104	24.2663	28.5556	0.23482	0.695206
XLOC_020863	SLC4A2	chr7:150755298-150773614	62.7675	73.8677	0.234927	0.685271
XLOC_015962	AMOTL2	chr3:134074189-134093404	19.7141	23.2014	0.234986	0.686668
XLOC_006497	ITPK1-AS1	chr14:93403258-93582263	0.0138511	0.0163013	0.234988	1
XLOC_017294	LMNB1	chr5:126112314-126172712	10.5595	12.4291	0.235168	0.704102
XLOC_022312	DNAJA1	chr9:33025208-33039062	82.9909	97.6915	0.23528	0.683558
XLOC_007929	ALG1	chr16:5121809-5147789	4.97162	5.85237	0.235304	0.855239
XLOC_007900	TNFRSF12A	chr16:3070312-3072383	537.092	632.263	0.235355	0.689384
XLOC_018872	CCND3	chr6:41902670-42016610	30.7228	36.1674	0.235381	0.691659
XLOC_008224	DHODH	chr16:72042642-72059316	6.54302	7.70284	0.235434	0.747241
XLOC_010059	SECTM1	chr17:80278899-80291921	6.2185	7.32098	0.235469	0.793038
XLOC_020644	STAG3	chr7:99775537-99869855	0.184026	0.216677	0.235637	1
XLOC_004955	TSFM	chr12:58176527-58209852	23.1925	27.3116	0.235859	0.686273
XLOC_009393	CLUH	chr17:2592679-2614927	29.9841	35.31	0.235878	0.680021
XLOC_005064	TDG	chr12:104359592-10438264	3.75481	4.4222	0.236022	0.748391
XLOC_016510	NAA15	chr4:140211070-140311933	7.05821	8.31377	0.2362	0.879325
XLOC_015001	CMTM7	chr3:32433162-32496333	77.4328	91.2091	0.236234	0.674625
XLOC_023058	PDCL	chr9:125580375-125590933	4.17962	4.92371	0.236373	0.749035
XLOC_009128	NSF	chr17:44668034-44834828	5.7151	6.73274	0.236415	0.701805
XLOC_020789	TMEM178B	chr7:140774031-141180173	0.00308154	0.00363061	0.236561	1
XLOC_012964	SNRPG	chr2:70508505-70520869	259.087	305.273	0.236667	0.672991
XLOC_010819	ZNF568	chr19:37407230-37488834	0.0619916	0.0730487	0.236786	1
XLOC_011182	EPS8L1	chr19:55587220-55599291	7.99824	9.42507	0.236822	0.787566
XLOC_005205	PGAM5	chr12:133287392-13329932	41.0035	48.3262	0.237059	0.690127
XLOC_006523	VRK1	chr14:97263683-97347951	12.0637	14.2206	0.237308	0.707294
XLOC_017382	PCDHB13	chr5:140593508-140596992	1.8614	2.19447	0.237485	0.817266
XLOC_000170	EPHB2	chr1:23037330-23241823	7.86631	9.27417	0.237531	0.690838
XLOC_016488	EXOSC9	chr4:122722471-122745083	17.4306	20.5505	0.237551	0.879833
XLOC_008076	ARMC5	chr16:31470316-31478488	6.55933	7.73419	0.237701	0.763851
XLOC_009911	ICAM2	chr17:62075710-62097994	8.11661	9.57064	0.237738	0.803587
XLOC_009859	TRIM25	chr17:54965269-54991409	18.8514	22.2345	0.238128	0.71619
XLOC_010714	GATAD2A	chr19:19496641-19619741	16.5545	19.5257	0.238156	0.674744
XLOC_008405	NAGPA	chr16:50748444-5092972	8.50256	10.0295	0.238279	0.764271
XLOC_012079	EFR3B	chr2:25264972-25382004	0.164047	0.193518	0.23836	1
XLOC_020356	ZNF815P	chr7:5862790-5894066	0.639858	0.75483	0.2384	0.890666
XLOC_017057	TRIP13	chr5:892968-918164	7.67265	9.05146	0.238425	0.721145
XLOC_010175	GALNT1	chr18:33234532-33291798	4.769	5.6261	0.238448	0.714805
XLOC_016276	PGM2	chr4:37828281-37864559	7.67945	9.06002	0.238512	0.698227
XLOC_016285	LIAS	chr4:39460664-39479271	7.64651	9.02153	0.23857	0.729713
XLOC_020525	TYW1	chr7:66461791-66704507	3.85547	4.54926	0.238725	0.74078
XLOC_018715	SCAND3	chr6:28539406-28555112	0.471906	0.556879	0.238864	0.858992
XLOC_010227	PHLPP1	chr18:60382671-60647676	2.79702	3.30076	0.238906	0.747687
XLOC_015999	TM4SF1	chr3:149086804-149095563	57.8781	68.3046	0.238965	0.674163
XLOC_005218	FBXL14	chr12:1675158-1703331	1.84518	2.17771	0.239049	0.86583
XLOC_000893	ZBTB37	chr1:173837492-173855774	0.177005	0.208907	0.239073	1
XLOC_010439	ARID3A	chr19:926036-972803	4.99637	5.89737	0.239191	0.774943
XLOC_015808	EOGT	chr3:69024367-69062774	4.16494	4.9165	0.239334	0.719177
XLOC_007939	CLEC16A	chr16:11038344-11276046	2.31334	2.73083	0.239359	0.742477
XLOC_000925	DHX9	chr1:182808438-182857111	27.5626	32.539	0.239458	0.671358
XLOC_005241	IFFO1	chr12:6648693-6665249	0.0656591	0.0775197	0.239567	1
XLOC_018550	PCMT1	chr6:150070830-150132557	54.5464	64.4018	0.239615	0.698227
XLOC_006697	SUPT16H	chr14:21819630-21852425	25.3317	29.9096	0.239664	0.668949
XLOC_008189	DUS2L	chr16:68055176-68113226	10.752	12.6954	0.239698	0.877493
XLOC_012919	PNPT1	chr2:55861197-55921045	7.86615	9.28868	0.239816	0.673883
XLOC_014797	FOXRED2	chr22:36883232-36903148	9.44859	11.1579	0.239892	0.671358
XLOC_013943	UQCC	chr20:33890368-33999945	17.8994	21.1401	0.24007	0.674962
XLOC_022812	PIGO	chr9:35088684-35096598	9.97642	11.783	0.240109	0.710074
XLOC_003567	TAF6L	chr11:62538774-62554813	10.6841	12.6193	0.240161	0.755114
XLOC_007885	AMDHD2	chr16:2570362-2581409	21.8511	25.81	0.240225	0.798391
XLOC_022462	LOC100132781	chr9:99631181-99634510	0.0192961	0.0227973	0.240554	1
XLOC_000312	NFYC	chr1:41154751-41237275	16.7586	19.8001	0.240603	0.709525
XLOC_021736	FAM91A1	chr8:124780881-124827693	9.89499	11.6908	0.240605	0.671254
XLOC_007333	PSMA4	chr15:78832746-78841563	99.254	117.269	0.240622	0.667999
XLOC_011583	LOC400684	chr19:32880955-32896445	1.43079	1.69054	0.240672	0.929536
XLOC_022011	GGH	chr8:63927638-63951610	47.5657	56.2054	0.240787	0.664149
XLOC_010590	LDLR	chr19:11200037-11244505	14.0264	16.5764	0.24099	0.686575
XLOC_001051	KCTD3	chr1:215740734-215795145	4.54073	5.36659	0.241081	0.713826
XLOC_018523	CCDC28A	chr6:139046347-139114456	17.6906	20.909	0.241147	0.695505
XLOC_009586	PHF12	chr17:27232270-27278508	3.86446	4.5677	0.241202	0.731614
XLOC_001378	GPATCH3	chr1:27216978-27226962	8.19564	9.68711	0.24121	0.736532
XLOC_021962	PPAPDC1B	chr8:38120649-38126738	32.488	38.4006	0.241222	0.788591
XLOC_010454	DAZAP1	chr19:1407583-1435682	100.616	118.935	0.241314	0.658298
XLOC_011012	SNRNP70	chr19:49588464-49611870	118.921	140.609	0.24169	0.673824
XLOC_000616	CD101	chr1:117544371-117579173	0.396166	0.46842	0.241695	0.902188
XLOC_003832	REXO2	chr11:114310107-11432100	77.8045	91.9963	0.241722	0.653383
XLOC_003143	DCLRE1A	chr10:115594482-11561411	2.55239	3.01823	0.241853	0.736954
XLOC_011056	C19orf81	chr19:51152701-51162567	1.44889	1.71349	0.241988	0.942878
XLOC_017463	MAT2B	chr5:162930069-162946355	19.3524	22.8889	0.242136	0.669766

XLOC_005430	RHEBL1	chr12:49458467-49463775	10.5916	12.5277	0.242197	0.760508
XLOC_005108	ERP29	chr12:112451151-11246102	102.062	120.724	0.24227	0.661892
XLOC_023095	PTGES2	chr9:130882971-13089074	158.42	187.397	0.242344	0.671358
XLOC_003724	C11orf30	chr11:76156068-76262589	0.705633	0.834705	0.242348	0.829181
XLOC_004927	NABP2	chr12:56618124-56623638	51.9736	61.4849	0.242455	0.663064
XLOC_016102	TBCCD1	chr3:186263855-186288332	1.62206	1.91902	0.242542	0.828589
XLOC_006411	ARG2	chr14:68086578-68141602	21.2601	25.1574	0.242833	0.86815
XLOC_018731	HCG4B	chr6:29892368-29893428	0.151746	0.179569	0.242888	1
XLOC_000649	PDIA3P	chr1:146649429-146651528	1.30886	1.54889	0.242925	0.854683
XLOC_000918	IER5	chr1:181057637-181059978	23.8611	28.2438	0.243274	0.700075
XLOC_003168	ATE1	chr10:123502624-12368754	1.21791	1.44186	0.243521	0.855212
XLOC_012296	RPIA	chr2:88991175-89050452	17.8698	21.159	0.243743	0.674625
XLOC_014502	CCDC157	chr22:30727976-30773894	0.478502	0.566576	0.243744	0.990857
XLOC_011643	YIF1B	chr19:38794199-38806606	22.1411	26.2171	0.243778	0.877493
XLOC_001124	RYR2	chr1:237205701-237997288	0.175058	0.207295	0.243858	1
XLOC_006310	C14orf23	chr14:29241909-29264000	0.0135439	0.0160391	0.243952	1
XLOC_005733	RAB35	chr12:120532898-12055464	20.8793	24.7322	0.244314	0.655033
XLOC_001740	IGSF3	chr1:117117030-117210314	1.55312	1.83987	0.244435	0.754842
XLOC_005628	UBE2N	chr12:93802087-93836026	36.5281	43.273	0.24446	0.645744
XLOC_019184	MPC1	chr6:166778407-166796507	18.7448	22.206	0.24446	0.728767
XLOC_008818	FGF11	chr17:7342688-7348251	1.58912	1.88277	0.244634	0.844123
XLOC_013933	PIGU	chr20:33148345-33265089	17.5316	20.7715	0.244643	0.68944
XLOC_004172	PSMC3	chr11:47440319-47448024	74.283	88.0206	0.244809	0.655465
XLOC_014639	PIM3	chr22:50354142-50357720	43.9886	52.1248	0.244841	0.666794
XLOC_018675	HIST1H4B	chr6:26027123-26027480	0.982197	1.16388	0.244853	0.968294
XLOC_018525	ABRACL	chr6:139349818-139364438	92.5612	109.688	0.24493	0.652832
XLOC_022451	HIATL1	chr9:97136832-97223202	17.6322	20.8947	0.24493	0.653383
XLOC_018546	UST	chr6:149068270-149398128	2.58252	3.06059	0.245031	0.738927
XLOC_021174	SLC25A13	chr7:95749531-95951459	5.30911	6.29291	0.245258	0.714805
XLOC_003895	ROBO3	chr11:124735304-12475137	2.93589	3.47995	0.245267	0.763859
XLOC_007301	LOC440288	chr15:74753605-74773633	2.4644	2.92132	0.245384	0.857925
XLOC_009732	LEPREL4	chr17:39958204-39968451	21.3703	25.3347	0.245507	0.666069
XLOC_005059	DRAM1	chr12:102271104-10231748	6.33407	7.50941	0.245566	0.715655
XLOC_005150	TMEM120B	chr12:122150657-12223155	6.14757	7.28847	0.2456	0.942519
XLOC_015232	LOC100009676	chr3:101368282-101398057	2.14196	2.53969	0.24572	0.918898
XLOC_002787	ID1	chr10:1064846-1095061	17.5016	20.7516	0.245738	0.740994
XLOC_016307	OClAD1	chr4:48833059-48863834	38.695	45.8849	0.245873	0.65516
XLOC_010391	PIGN	chr18:59711457-59854289	3.04031	3.60529	0.245895	0.714805
XLOC_002114	UBE2T	chr1:202300784-202311094	46.0069	54.5569	0.245909	0.653768
XLOC_022971	TRIM14	chr9:100818958-100881488	10.9982	13.0421	0.245913	0.908129
XLOC_003713	SPCS2	chr11:74660291-74690076	27.5192	32.6339	0.24593	0.653433
XLOC_012136	RASGRP3	chr2:33661415-33789798	0.0478908	0.0568001	0.246143	1
XLOC_008048	SLX1B, SULT1A4	chr16:30204255-30218248	0.564584	0.669698	0.246323	0.950929
XLOC_013931	EIF2S2	chr20:32676114-32700085	85.5053	101.428	0.246365	0.691366
XLOC_004830	LOC100335030	chr12:49760687-49921207	0.273288	0.324237	0.246625	1
XLOC_009305	MFSD11	chr17:74730196-74775336	3.48109	4.13033	0.246717	0.975734
XLOC_016118	MB21D2	chr3:192514604-192635958	1.69612	2.01253	0.246771	0.800595
XLOC_015455	PIK3CA	chr3:178866310-178952497	1.09833	1.30322	0.246774	0.813829
XLOC_023526	GPRASP1	chrX:101854095-101972667	0.0664497	0.0788478	0.246809	1
XLOC_010930	APOE	chr19:45409038-45412650	0.747212	0.886652	0.24685	0.952905
XLOC_002522	PLAU	chr10:75669726-75682535	30.9989	36.7845	0.246879	0.651582
XLOC_003403	TRIM44	chr11:35684352-35830930	4.8709	5.78044	0.246991	0.691625
XLOC_007581	LYSMD2	chr15:52015260-52043650	9.53491	11.3162	0.2471	0.748288
XLOC_008242	WWOX	chr16:78133326-79246564	5.7054	6.77174	0.247199	0.87226
XLOC_016970	PLRG1	chr4:155456148-155471588	12.0549	14.3139	0.2478	0.673111
XLOC_006076	SUPT20H	chr13:37574677-37633850	10.1036	11.9972	0.247828	0.895499
XLOC_010662	FAM32A	chr19:16296234-16302857	43.6167	51.7933	0.247883	0.641563
XLOC_007801	VIMP	chr15:101811213-10181778	41.7966	49.6383	0.248069	0.648141
XLOC_020579	PHTF2	chr7:77428108-77586821	2.64147	3.13722	0.24815	0.747687
XLOC_005912	SUGT1	chr13:53226830-53262433	27.4233	32.5708	0.248177	0.648914
XLOC_010665	C19orf44	chr19:16607204-16653263	1.7148	2.03669	0.248187	0.965607
XLOC_012975	EXOC6B	chr2:72406443-73053177	0.345419	0.41031	0.248367	0.909016
XLOC_006469	AHSA1	chr14:77924372-77935815	144.947	172.196	0.248528	0.652768
XLOC_008777	GLTPD2	chr17:4692253-4693884	0.197964	0.23519	0.248586	1
XLOC_013125	TMEM185B	chr2:120975046-120980984	11.2681	13.3874	0.248623	0.638092
XLOC_017859	HARS	chr5:140053489-140078898	39.2562	46.6396	0.248636	0.722382
XLOC_008289	ACSF3	chr16:89160216-89222171	4.74346	5.63563	0.248637	0.735667
XLOC_014875	EFCAB6	chr22:43912133-44208217	0.0193505	0.0229909	0.248693	1
XLOC_016473	ANK2	chr4:113739238-114304898	0.360133	0.427895	0.248729	0.839213
XLOC_012083	EPT1	chr2:26531040-26618759	3.22486	3.83183	0.248797	0.664149
XLOC_012731	RAMP1	chr2:238768186-238820755	44.464	52.84	0.248995	0.698688
XLOC_002568	MINPP1	chr10:89264222-89313218	6.77198	8.04793	0.249041	0.716391
XLOC_006270	TMEM253	chr14:21558204-21572863	0.292682	0.347845	0.249115	0.989719
XLOC_006780	SEC23A	chr14:39501122-39572437	3.77165	4.48272	0.249179	0.714627
XLOC_021687	MTDH	chr8:98656406-98742488	27.0686	32.1734	0.249251	0.654629
XLOC_017332	CATSPER3	chr5:134303595-134347397	0.587585	0.698418	0.249293	0.920541
XLOC_015002	CNOT10	chr3:32726636-32815367	12.5422	14.9092	0.249403	0.657573
XLOC_004570	H2AFX	chr11:118964584-11896617	199.87	237.593	0.249434	0.653311
XLOC_021178	SHFM1	chr7:96318078-96339203	410.558	488.094	0.249573	0.649163

XLOC_022763	CDKN2A	chr9:21967137-21994490	1.89344	2.25108	0.249603	0.904734
XLOC_022664	EGFL7	chr9:139553307-139567130	190.427	226.399	0.249629	0.642142
XLOC_011989	DUXA	chr19:57663093-57678856	0.00914935	0.0108777	0.249633	1
XLOC_004512	SLC35F2	chr11:107661716-10772991	21.2279	25.2388	0.249683	0.641563
XLOC_016634	LETM1	chr4:1813205-1857974	14.7667	17.5578	0.249767	0.6442
XLOC_008731	ANKRD11	chr16:89334028-89556969	12.7678	15.1815	0.249806	0.807124
XLOC_015494	DNAJB11	chr3:186288466-186303581	24.2263	28.8122	0.250107	0.655465
XLOC_014716	ZNF70	chr22:24083771-24093279	0.575979	0.68504	0.250172	0.869696
XLOC_009422	PFN1	chr17:4848944-4852381	1278.66	1520.85	0.250252	0.680196
XLOC_005294	KLRAP1	chr12:10741076-10752434	0.174409	0.207447	0.250266	1
XLOC_004612	ACRV1	chr11:125495030-12555071	0.109359	0.130078	0.250303	1
XLOC_015394	RNF13	chr3:149530474-149679921	5.8048	6.90458	0.250308	0.700083
XLOC_006444	LIN52	chr14:74551655-74667117	0.99177	1.17967	0.25031	0.879301
XLOC_000025	ATAD3B	chr1:1407163-1431582	35.8506	42.6434	0.250323	0.637163
XLOC_021436	AGPAT5	chr8:6565877-6619021	8.97942	10.6823	0.250531	0.633817
XLOC_000220	GPR3	chr1:27719147-27722317	6.14944	7.31619	0.250639	0.74078
XLOC_010524	TNFSF9	chr19:6531009-6535939	19.6031	23.3227	0.250655	0.701805
XLOC_019204	PSMB1	chr6:170844203-170862417	221.125	263.099	0.250744	0.648378
XLOC_012056	LPIN1	chr2:11817704-11967533	7.66278	9.11747	0.250765	0.641988
XLOC_003120	USMG5	chr10:105127273-10515627	354.546	421.856	0.250778	0.68423
XLOC_018113	BTN2A1	chr6:26458152-26482737	5.24508	6.24103	0.250819	0.716012
XLOC_007153	SPINT1	chr15:41136245-41149853	51.8465	61.6965	0.250941	0.638092
XLOC_003255	CD81	chr11:2398546-2418649	324.255	385.877	0.25101	0.646994
XLOC_001361	STPG1	chr1:24645811-24741587	5.04056	5.99875	0.251079	0.728225
XLOC_004372	CPT1A	chr11:68522087-68609399	8.67303	10.3234	0.251306	0.649163
XLOC_007896	KREMENT2	chr16:3014216-3018384	18.9164	22.5171	0.251381	0.717812
XLOC_004077	GALNT18	chr11:11292420-11643561	32.9263	39.194	0.251393	0.632357
XLOC_010751	PDCD5	chr19:33072093-33078358	168.709	200.834	0.251469	0.631604
XLOC_013376	GLBL1L	chr2:220101502-220110131	0.572651	0.68173	0.251545	0.893663
XLOC_018340	CENPQ	chr6:49431095-49460820	5.36856	6.39142	0.2516	0.739609
XLOC_005632	NDUFA12	chr12:95365103-95397489	98.9571	117.821	0.251717	0.645533
XLOC_011035	PRMT1	chr19:50180408-50191707	279.961	333.361	0.25186	0.648914
XLOC_018406	ORC3	chr6:88299784-88377172	8.55815	10.1913	0.251966	0.676634
XLOC_000580	RBM15	chr1:110881944-110889303	4.6837	5.57749	0.251969	0.717991
XLOC_000913	QSOX1	chr1:180123967-180169851	50.6796	60.3524	0.252008	0.669766
XLOC_023962	HMGN5	chrX:80369199-80554046	2.37876	2.83298	0.252112	0.948806
XLOC_022099	CCNE2	chr8:9583517-95907482	3.31515	3.94848	0.252222	0.954559
XLOC_023288	PDHA1	chrX:19362010-19533379	28.4095	33.838	0.252273	0.63475
XLOC_023040	MEGF9	chr9:123363195-123476761	1.12683	1.34226	0.252387	0.761735
XLOC_006320	SRP54	chr14:35452103-35498773	9.35635	11.1455	0.252438	0.671418
XLOC_003626	OVOL1	chr11:65554504-65564690	0.0226069	0.0269313	0.252518	1
XLOC_010381	NARS	chr18:55267893-55289177	39.6276	47.2087	0.252544	0.663296
XLOC_007582	LEO1	chr15:52230221-52263958	7.07014	8.42366	0.25271	0.67573
XLOC_023298	SAT1	chrX:23801274-23804327	103.824	123.71	0.252821	0.6442
XLOC_006002	LAMP1	chr13:113951468-11397774	67.7282	80.7017	0.252842	0.642142
XLOC_008791	MIS12	chr17:5389693-5394130	9.737	11.6053	0.253238	0.671358
XLOC_019043	TUBE1	chr6:112391859-112423991	7.45113	8.88099	0.25326	0.872554
XLOC_006928	EFCAB11	chr14:90263468-90421089	10.5032	12.5189	0.253284	0.782186
XLOC_009926	CEP112	chr17:63631657-64188212	1.43766	1.71361	0.253314	0.873144
XLOC_018291	MDF1	chr6:41606194-41621982	28.3305	33.7695	0.253362	0.672097
XLOC_003159	EIF3A	chr10:120794540-12084031	24.8364	29.6052	0.253399	0.637163
XLOC_002805	PRKCC	chr10:6469104-6622254	1.36303	1.62483	0.253466	0.808353
XLOC_013280	MTSN	chr2:190920425-190927451	0.0100558	0.0119901	0.25381	1
XLOC_002559	BMPR1A	chr10:88516395-88684945	2.83507	3.38057	0.25388	0.73007
XLOC_013658	TOP1	chr20:39657461-39753126	18.7666	22.3818	0.254158	0.624818
XLOC_014892	CELSR1	chr22:46756730-46933067	0.049414	0.0589364	0.25424	1
XLOC_012901	PIGF	chr2:46769866-46844251	20.1489	24.0332	0.25433	0.917325
XLOC_011979	NLRP11	chr19:56296762-56393220	0.304573	0.363308	0.254407	0.897825
XLOC_016311	DANCR	chr4:53578620-53580305	101.176	120.69	0.254441	0.638092
XLOC_007293	CD276	chr15:73976621-74006859	24.9279	29.7371	0.254503	0.631534
XLOC_014298	C21orf59	chr21:33973983-33984918	36.0569	43.0251	0.254903	0.632634
XLOC_001102	ARV1	chr1:231114822-231136471	6.65095	7.93759	0.255141	0.741805
XLOC_015804	MAGI1	chr3:65339905-66024509	0.782676	0.934209	0.255331	0.800631
XLOC_007431	HSP90B2P	chr15:99791651-99926498	0.0304936	0.0363999	0.255429	1
XLOC_013296	HSPD1	chr2:198351307-198418421	386.86	461.827	0.255541	0.734475
XLOC_009081	PSME3	chr17:40985158-40995777	30.9879	36.995	0.255627	0.635935
XLOC_008487	CLN3	chr16:28488599-28503623	25.7581	30.7518	0.255644	0.650075
XLOC_016131	XXYL1T	chr3:194789012-194991891	2.86191	3.41687	0.255698	0.790283
XLOC_007809	SNRNP25	chr16:103828-107669	27.7355	33.1156	0.255779	0.653383
XLOC_010089	USP14	chr18:158482-213739	10.934	13.0562	0.255919	0.636639
XLOC_020424	ZNRF2	chr7:30323922-30407308	1.23202	1.47129	0.256055	0.830321
XLOC_021245	ORC5	chr7:103766787-103848491	18.7804	22.429	0.256141	0.624874
XLOC_020374	PHF14	chr7:11013498-11209250	3.64357	4.35159	0.256191	0.723055
XLOC_021071	PSPH	chr7:56078743-56119268	14.7364	17.6017	0.256333	0.703835
XLOC_011848	AKT1S1	chr19:50372296-50380644	48.5148	57.951	0.256408	0.632011
XLOC_019183	SFT2D1	chr6:166733516-166755991	103.826	124.024	0.256442	0.632842
XLOC_004964	TBK1	chr12:64845839-64895899	6.30948	7.53698	0.256466	0.661955
XLOC_009599	TEFM	chr17:29226000-29233286	8.14446	9.7295	0.256547	0.72467
XLOC_008891	DRG2	chr17:17991180-18011299	24.6557	29.4564	0.256661	0.638917

XLOC_006255	PNP	chr14:20937537-20946165	67.9927	81.232	0.256668	0.620408
XLOC_004402	UCP3	chr11:73711325-73720282	0.158078	0.188881	0.256884	1
XLOC_014743	TTC28	chr22:28315363-29075853	0.413567	0.494169	0.256909	0.924371
XLOC_016686	QDPR	chr4:17488015-17513857	32.5609	38.9075	0.256981	0.625369
XLOC_004969	LEMD3	chr12:65563350-65642141	3.25735	3.89246	0.257188	0.682297
XLOC_002269	PLAA	chr9:26903367-27062931	7.61026	9.09538	0.257195	0.691625
XLOC_008595	C16orf80	chr16:58147496-58163296	38.6979	46.2499	0.257331	0.638545
XLOC_009143	NFE2L1	chr17:46125685-46138907	22.9432	27.4232	0.257396	0.633749
XLOC_015317	SEC61A1	chr3:127771211-127790521	82.0195	98.0395	0.257467	0.634201
XLOC_004569	HYOU1	chr11:118914895-11892792	22.0954	26.4124	0.257504	0.620054
XLOC_008438	ABCC6	chr16:16243421-16317328	1.02018	1.21953	0.257634	0.935939
XLOC_004496	DCUN1D5	chr11:102921412-10296294	4.22243	5.04799	0.257659	0.624393
XLOC_008919	MAP2K3	chr17:21187967-21218551	50.2636	60.092	0.257758	0.624281
XLOC_0022907	GOLM1	chr9:88641057-88715116	47.8035	57.1544	0.258044	0.613617
XLOC_007800	CHSY1	chr15:101715927-10179212	3.42725	4.09769	0.258082	0.70071
XLOC_020696	DLD	chr7:107531585-107561643	24.0118	28.7111	0.258182	0.619291
XLOC_004828	DNAJC22	chr12:49741040-49745685	4.36451	5.21895	0.258183	0.777608
XLOC_001558	TMEM48	chr1:54231133-54304225	6.38208	7.63187	0.258411	0.638092
XLOC_000316	CTPS1	chr1:41445006-41478235	19.1718	22.9267	0.258561	0.617065
XLOC_023179	EDF1	chr9:139756570-139760738	827.952	990.137	0.259045	0.647116
XLOC_022980	BAAT	chr9:104122698-104147287	0.111286	0.133095	0.259054	1
XLOC_000929	RGL1	chr1:183605207-183897666	0.30376	0.363288	0.259424	0.869885
XLOC_013571	GINS1	chr20:25388322-25429191	7.5048	8.97694	0.259456	0.654231
XLOC_022085	LOC100127983	chr8:91803920-91997485	0.128702	0.153964	0.259534	1
XLOC_006082	PROSER1	chr13:39584001-39612213	6.0542	7.24305	0.259573	0.651582
XLOC_011678	C19orf47	chr19:40826966-40884390	8.59134	10.279	0.259717	0.938194
XLOC_024098	MOSPDI	chrX:134021661-134049292	3.18085	3.80577	0.259755	0.750092
XLOC_008316	MRPL28	chr16:417383-420569	110.689	132.45	0.259821	0.612792
XLOC_003702	P2RY2	chr11:72929343-72947395	0.588754	0.704554	0.260157	0.895195
XLOC_014638	CRELD2	chr22:50312282-50321186	12.0296	14.3957	0.260273	0.728031
XLOC_017711	ARSB	chr5:78073036-78282357	0.68039	0.814427	0.260363	0.889711
XLOC_014092	RGS19	chr20:62704534-62711324	22.4732	26.9011	0.260498	0.666069
XLOC_015277	TIMMDC1	chr3:119217367-119243121	32.1949	38.5398	0.260501	0.619231
XLOC_020466	DBNL	chr7:44084238-44101315	37.639	45.0573	0.260569	0.619291
XLOC_013518	LOC643406	chr20:5451841-5457780	0.105294	0.126051	0.260652	1
XLOC_000817	SLAMF7	chr1:160709076-160724607	0.197843	0.236867	0.260718	1
XLOC_001187	NOC2L	chr1:861120-894679	68.0973	81.5313	0.261047	0.619291
XLOC_017715	SERINC5	chr5:79407049-79551898	1.56395	1.87248	0.261115	0.730493
XLOC_012974	CYP26B1	chr2:72356366-72374963	1.0152	1.21553	0.261354	0.824588
XLOC_019137	NUP43	chr6:150045456-150067688	9.40903	11.2683	0.261358	0.633936
XLOC_000738	HAX1	chr1:154245038-154248351	68.9835	82.6219	0.261387	0.638558
XLOC_017249	FAM174A	chr5:99871123-99922440	7.15268	8.56734	0.261408	0.749584
XLOC_011264	POLRMT	chr19:617222-633568	37.344	44.7341	0.261462	0.606887
XLOC_017178	MCCC2	chr5:70883114-70954530	20.287	24.3017	0.261462	0.608559
XLOC_007452	NIP2A	chr15:23004683-23034427	18.6837	22.3822	0.261513	0.634201
XLOC_004218	BTBD18	chr11:57479994-57586652	0.0142598	0.0170836	0.261513	1
XLOC_007391	FANCI	chr15:89787193-89878026	6.6712	7.99259	0.261643	0.850379
XLOC_003676	MYEOV	chr11:69061621-69064754	7.51819	9.00942	0.261695	0.716012
XLOC_006357	PSMC6	chr14:53173895-53194716	28.0751	33.6453	0.261946	0.611988
XLOC_001631	BCL10	chr1:85731459-85743771	27.6078	33.0908	0.262128	0.628409
XLOC_007390	ABHD2	chr15:89631380-89745591	2.55759	3.06554	0.262246	0.653383
XLOC_004985	CCT2	chr12:69979207-69995357	171.196	205.201	0.26227	0.626978
XLOC_000121	DDI2_RSC1A1	chr1:15943952-15988217	2.13132	2.5547	0.262469	0.796325
XLOC_000193	MAN1C1	chr1:25943958-26111258	0.102193	0.122499	0.262545	1
XLOC_004977	NUP107	chr12:69080730-69136473	14.1104	16.9146	0.262608	0.617065
XLOC_004856	NR4A1	chr12:52416615-52453291	12.6233	15.1333	0.262633	0.668888
XLOC_006731	PSME2	chr14:24612573-24615855	99.784	119.63	0.262633	0.606953
XLOC_019113	LOC100507462	chr6:139046347-139114451	0.0988234	0.118479	0.262851	1
XLOC_016295	TMEM33	chr4:41937136-41962824	7.56285	9.06848	0.262904	0.618093
XLOC_002939	SGMS1	chr10:52065344-52383737	2.47719	2.97039	0.262999	0.723204
XLOC_004833	TMBIM6	chr12:50135292-50158717	269.339	323.004	0.263003	0.640343
XLOC_005105	ALDH2	chr12:112204690-11224778	58.3852	70.024	0.263151	0.606431
XLOC_015183	MITF	chr3:69788585-70017488	0.459008	0.550517	0.263229	0.839607
XLOC_011501	WIZ	chr19:15532317-15560762	15.5689	18.6754	0.263299	0.619111
XLOC_010537	PET100	chr19:7694670-7698634	154.383	185.196	0.263303	0.633749
XLOC_014342	C2CD2	chr21:43305218-43373999	21.8911	26.2615	0.263332	0.622998
XLOC_011433	TMEM205	chr19:11453451-11456981	97.2561	116.675	0.263366	0.624874
XLOC_003047	NUDT9P1	chr10:92911760-92912837	0.257893	0.309433	0.26352	1
XLOC_012326	UNC50	chr2:99225041-99234977	25.8842	31.0582	0.263632	0.651749
XLOC_006409	EIF2S1	chr14:67827033-67853233	18.3454	22.0138	0.263728	0.61078
XLOC_018071	KDM1B	chr6:18155618-18224084	1.66004	1.99215	0.263728	0.750689
XLOC_016158	ZNF595,ZNF718	chr4:53226-156490	0.44548	0.534608	0.263894	0.876927
XLOC_002759	PTPRE	chr10:129705324-12988411	0.868212	1.04194	0.263952	0.786958
XLOC_017817	H2AFY	chr5:134670070-134735571	67.7561	81.3222	0.263994	0.604298
XLOC_005977	TPP2	chr13:103249285-10333151	8.22334	9.86984	0.264299	0.612792
XLOC_003266	RRM1	chr11:4115923-4160106	26.9785	32.3832	0.264336	0.601838
XLOC_013382	CHPF	chr2:220403668-220408487	49.0948	58.939	0.264525	0.605597
XLOC_006025	LATS2	chr13:21547175-21635722	3.8526	4.62535	0.263728	0.666069
XLOC_001759	LINC00623,LOC728875	chr1:144300511-144341751	0.899926	1.08055	0.263894	0.900119

XLOC_002175	TMEM206	chr1:212537815-212588261	10.1956	12.2422	0.263925	0.671358
XLOC_007255	PTPLAD1	chr15:65822826-65870693	29.0911	34.9309	0.263927	0.605597
XLOC_017257	SLC25A46	chr5:110074753-110098484	5.5196	6.62778	0.263964	0.679982
XLOC_017331	MIR4461	chr5:134240809-134298336	3043.01	3654	0.263976	0.98972
XLOC_011258	PPAP2C	chr19:281043-291435	79.2278	95.1425	0.264083	0.605597
XLOC_018618	SERPINB9	chr6:2887499-2903546	11.3829	13.6702	0.264174	0.617065
XLOC_014306	GART	chr21:34876237-34915198	28.8019	34.5964	0.264456	0.638545
XLOC_008492	TUFM	chr16:28853731-28857729	301.068	361.663	0.26456	0.614283
XLOC_019155	TMEM242	chr6:157710053-157745253	3.39902	4.08405	0.264878	0.65681
XLOC_016662	AFAP1	chr4:7755816-7941653	1.01997	1.22558	0.264937	0.754842
XLOC_018763	GPANK1	chr6:31629005-31637843	17.3545	20.8549	0.265073	0.931471
XLOC_010869	SNRPA	chr19:41256758-41271297	124.669	149.815	0.265078	0.615994
XLOC_021713	EMC2	chr8:109455852-109499136	30.2234	36.3205	0.26512	0.608559
XLOC_009339	CCDC137	chr17:79633760-79640936	24.8959	29.9188	0.265148	0.619732
XLOC_018086	LRRRC16A	chr6:25279655-25620758	1.59213	1.91359	0.265325	0.727212
XLOC_014606	BIK	chr22:43506753-43525718	4.66592	5.60805	0.265338	0.830184
XLOC_000188	CLIC4	chr1:25071759-25170815	21.5357	25.8845	0.265361	0.624818
XLOC_005141	CABP1	chr12:121078421-12110512	1.18391	1.423	0.265375	0.895818
XLOC_014935	ARPC4,ARPC4-TTLL3,TTLL	chr3:9821653-9878040	115.883	139.291	0.265431	0.780773
XLOC_014251	MRPL39	chr21:26957967-26979801	44.6596	53.6832	0.265498	0.589808
XLOC_000374	DMBX1	chr1:46972667-46979886	1.58056	1.90003	0.265582	0.824707
XLOC_002164	PLXNA2	chr1:208195587-208417665	0.414104	0.497808	0.265596	0.806843
XLOC_002025	TNFSF4	chr1:173152869-173176477	0.0391561	0.047077	0.265785	1
XLOC_016323	TMEM165	chr4:56262079-56292342	43.3329	52.0996	0.265809	0.584416
XLOC_015819	SHQ1	chr3:72798427-72897598	4.11722	4.95043	0.265885	0.690127
XLOC_020341	NUDT1	chr7:2281856-2290780	50.2698	60.4458	0.265952	0.650075
XLOC_007131	C15orf41	chr15:36871811-37110707	1.97463	2.37471	0.266173	0.778471
XLOC_010573	MRPL4	chr19:10362639-10370736	146.594	176.336	0.266501	0.61004
XLOC_023635	HTATSF1	chrX:135579237-135594503	6.56063	7.89233	0.266617	0.657112
XLOC_003648	RBM14,RBM14-RBM4,RBM	chr11:66384052-66445275	90.6313	109.04	0.266773	0.73891
XLOC_002697	VTI1A	chr10:114206755-11457851	3.96017	4.76466	0.266809	0.664776
XLOC_001976	NR1I3	chr1:161195832-161208000	1.51135	1.81838	0.266815	0.967367
XLOC_006986	XRCC3	chr14:104095524-10418182	11.6718	14.0445	0.266974	0.863259
XLOC_010409	CYB5A	chr18:71920526-71959251	10.966	13.1958	0.267039	0.739919
XLOC_012515	ITGA6	chr2:173292313-173371181	2.20687	2.65603	0.267269	0.674625
XLOC_005172	GTF2H3	chr12:124105569-124147151	7.48325	9.00687	0.267362	0.806843
XLOC_011253	LOC100131691	chr19:59070552-59086164	0.276419	0.332715	0.267431	1
XLOC_003638	KLC2	chr11:66024764-66035332	31.0779	37.4075	0.267437	0.596377
XLOC_017490	CPEB4	chr5:173315330-173387313	0.531662	0.63999	0.267538	0.787642
XLOC_016411	CDS1	chr4:85504056-85572493	1.84137	2.21697	0.267812	0.728892
XLOC_006371	AP5M1	chr14:57669193-57756797	4.2127	5.07205	0.267822	0.905536
XLOC_018488	CENPW	chr6:126661252-126669750	65.9118	79.3763	0.268172	0.637163
XLOC_013413	NCL	chr2:232319458-232329205	236.314	284.593	0.268193	0.621004
XLOC_015932	RUVBL1	chr3:127799799-127842677	41.8507	50.401	0.268199	0.590604
XLOC_005078	BTBD11	chr12:107712196-10805347	0.349664	0.421113	0.268238	0.875655
XLOC_020358	CCZ1	chr7:5938340-5965603	9.098	10.9574	0.268283	0.662533
XLOC_012914	RTN4	chr2:55199326-55277734	145.337	175.075	0.268573	0.596611
XLOC_009932	WIPI1	chr17:66417421-66453653	9.20446	11.088	0.268589	0.671358
XLOC_004169	ACP2	chr11:47260852-47290584	8.69086	10.4713	0.268875	0.728912
XLOC_009102	ASB16	chr17:42248073-42264085	0.171055	0.2062	0.269583	1
XLOC_022417	DAPK1	chr9:90112755-90323549	2.4932	3.00547	0.269592	0.682297
XLOC_002147	SLC45A3	chr1:205626980-205649630	5.9872	7.21776	0.269671	0.678263
XLOC_009100	G6PC3	chr17:42148097-42153712	61.953	74.6936	0.26981	0.585469
XLOC_005522	CNPY2,PAN2	chr12:56704212-56727837	97.9434	118.095	0.269923	0.662533
XLOC_017963	NOP16	chr5:175810939-175815763	88.504	106.716	0.269963	0.579831
XLOC_001644	GBP4	chr1:89646830-89664633	0.0068673	0.008281	0.270062	1
XLOC_017542	CCDC127	chr5:204874-218297	11.8242	14.2601	0.270242	0.679123
XLOC_021690	C8orf47	chr8:99076749-99105838	6.70429	8.0855	0.270252	0.819513
XLOC_008026	SPNS1	chr16:28986095-28995869	28.1652	33.9693	0.27032	0.612662
XLOC_022497	ZNF462	chr9:109625377-109848716	0.932934	1.12523	0.270372	0.728225
XLOC_009257	SSTR2	chr17:71161159-71168062	0.0152142	0.018352	0.27052	1
XLOC_008148	KATNB1	chr16:57769659-57791162	34.5785	41.7108	0.270546	0.589726
XLOC_017419	PPARGC1B	chr5:149109814-149234585	0.427954	0.516262	0.270645	0.788214
XLOC_012926	BCL11A	chr2:60678301-60780633	0.756925	0.913232	0.270832	0.872554
XLOC_007973	IQCK	chr16:19717673-19868859	2.2682	2.73659	0.270835	0.896464
XLOC_001225	FLJ42875	chr1:2976180-2984289	5.31349	6.41105	0.270899	0.879809
XLOC_013929	E2F1	chr20:32263291-32274210	17.1943	20.7475	0.271008	0.612736
XLOC_023067	PSMB7	chr9:127115743-127177753	247.644	298.823	0.271022	0.707157
XLOC_011419	CDC37	chr19:10501808-10514271	236.325	285.173	0.271065	0.72467
XLOC_007522	NDUFAF1	chr15:41679546-41694658	12.8515	15.5085	0.271127	0.651323
XLOC_005001	NAV3	chr12:78225068-78606790	5.19939	6.27666	0.271655	0.598176
XLOC_014547	NAV12	chr22:38082343-38089485	6.41512	7.74512	0.271811	0.668862
XLOC_006893	LTBP2	chr14:74964885-75079034	0.58105	0.701536	0.271856	0.797849
XLOC_006427	SIPA1L1	chr14:71996041-72206120	4.93486	5.95836	0.271907	0.617065
XLOC_009898	CYB5E1	chr17:61509664-61523722	12.5766	15.1871	0.272105	0.609543
XLOC_012863	FAM98A	chr2:33808728-33824362	10.154	12.2623	0.27218	0.605227
XLOC_003720	SERPINH1	chr11:75273100-75283849	108.355	130.86	0.27226	0.595039
XLOC_015887	TMEM39A	chr3:119147806-119182525	4.21863	5.09509	0.272332	0.629966
XLOC_007718	WDR61	chr15:78575577-78591940	22.5304	27.2114	0.27234	0.617065

XLOC_005375	AMN1	chr12:31824070-31882108	1.01608	1.22738	0.272569	0.839401
XLOC_008089	GPT2	chr16:46918307-46965201	22.0529	26.64	0.272625	0.610406
XLOC_003055	FRA10AC1	chr10:95427639-95462329	5.22085	6.30733	0.272746	0.634201
XLOC_011803	LIG1	chr19:48618702-48673560	18.3875	22.2145	0.272772	0.598567
XLOC_014708	PRAME	chr22:22890122-22901696	14.4152	17.4185	0.273034	0.617065
XLOC_013168	MCM6	chr2:136597195-13663404	16.2994	19.6971	0.273163	0.582306
XLOC_014352	U2AF1	chr21:44513065-44527688	183.674	221.965	0.273186	0.586293
XLOC_010048	PYCR1	chr17:79890266-79894968	196.045	236.935	0.273311	0.602989
XLOC_004180	NUP160	chr11:47799669-47870057	5.72511	6.91978	0.273422	0.594487
XLOC_012047	RRM2	chr2:10262694-10271546	42.4241	51.2778	0.27345	0.572217
XLOC_006454	LOC731223	chr14:75761106-75763111	0.395552	0.478109	0.273474	0.97314
XLOC_002483	MYPN	chr10:69865873-69971773	0.00642714	0.00776858	0.273475	1
XLOC_009172	LUC7L3	chr17:48796925-48830072	18.1312	21.9157	0.273495	0.652768
XLOC_002154	MRPL13	chr8:121408082-12153587	99.1907	119.91	0.273681	0.603292
XLOC_007119	CHRNA7	chr15:32322685-32462384	1.41083	1.70555	0.273694	0.787871
XLOC_016270	STIM2	chr4:26862312-27027003	0.966586	1.16855	0.273753	0.761735
XLOC_005200	NOCL4	chr12:132628992-1326369	30.0209	36.2949	0.2738	0.611466
XLOC_014402	USP18	chr22:18632757-18660162	3.55144	4.29415	0.273969	0.742706
XLOC_010015	CBX4	chr17:77806954-77813213	23.9608	28.9724	0.274007	0.600828
XLOC_006685	OSGEP	chr14:20915206-20923267	27.0027	32.6589	0.274377	0.589808
XLOC_021191	ZNF394	chr7:99090853-99097877	13.4026	16.2106	0.274426	0.609543
XLOC_020895	C7orf50	chr7:1036622-1177893	90.2128	109.116	0.274462	0.628269
XLOC_022262	DMRT2	chr9:1050345-1057554	2.35373	2.84701	0.274499	0.784181
XLOC_021502	SLC39A14	chr8:22224761-22291640	23.2667	28.1441	0.274567	0.585654
XLOC_001448	STK4	chr1:36805224-36851485	13.9355	16.8591	0.27476	0.619995
XLOC_012376	TMEM87B	chr2:112812799-11287689	2.96652	3.5889	0.274767	0.645335
XLOC_013020	LOC90784	chr2:86247338-86250991	2.99374	3.62226	0.27494	0.691659
XLOC_012674	ACSL3	chr2:223725731-22380811	10.8214	13.0939	0.275003	0.585481
XLOC_015313	MCM2	chr3:127317199-12734127	34.4463	41.6888	0.275312	0.57212
XLOC_002210	TMEM63A	chr1:225997796-22607042	5.13922	6.22029	0.275434	0.832722
XLOC_012621	MAP2	chr2:210288770-21059883	0.0832844	0.10081	0.27552	1
XLOC_023459	FOXO4	chrX:70315998-70323384	1.44173	1.74519	0.275581	0.786804
XLOC_011767	SYMPK	chr19:46318699-46366548	17.0401	20.6281	0.275682	0.568534
XLOC_001357	SRSF10	chr1:24292936-24306953	24.2272	29.3311	0.275805	0.597239
XLOC_021112	RFC2	chr7:73645831-73668738	32.8331	39.7511	0.275847	0.574819
XLOC_006285	NGDN	chr14:23938897-23947402	20.9992	25.424	0.275859	0.61592
XLOC_015413	KCNAB1	chr3:155838336-15625692	1.10337	1.336	0.275999	0.760508
XLOC_011045	ATF5	chr19:50392912-50437193	34.8857	42.2427	0.276067	0.912696
XLOC_005406	RAPGEF3	chr12:48128452-48152889	0.479926	0.581178	0.276168	0.827857
XLOC_022054	MRPS28	chr8:80831094-80942506	40.3973	48.9215	0.276209	0.611729
XLOC_003404	LDLRAD3	chr11:35965611-36252841	2.55876	3.09873	0.276232	0.727358
XLOC_002497	TSPAN15	chr10:71211225-71267423	7.2026	8.7236	0.276407	0.701167
XLOC_020780	TTC26	chr7:138818489-13887455	1.84463	2.23435	0.27653	0.780149
XLOC_010768	WTIP	chr19:34972879-34992085	1.4131	1.71168	0.27655	0.867513
XLOC_008336	CLCN7	chr16:1494933-1525085	38.6474	46.814	0.276568	0.553778
XLOC_017312	C5orf56	chr5:131746464-13181173	0.623821	0.755734	0.276745	0.947848
XLOC_015221	CMSS1	chr3:99273152-99897476	33.8416	40.9996	0.276814	0.670347
XLOC_006253	PARP2	chr14:20811772-20826063	12.7369	15.4321	0.276918	0.608261
XLOC_021585	UBE2V2	chr8:48920994-48974454	20.5389	24.8856	0.276952	0.584739
XLOC_012786	ODC1	chr2:10580507-10588453	176.919	214.384	0.277114	0.568527
XLOC_002335	PRKCCQ-AS1	chr10:6622386-6627323	2.62386	3.17963	0.277169	0.736579
XLOC_016097	TRA2B	chr3:185632357-18565592	26.353	31.9366	0.277244	0.5661
XLOC_009162	TMEM92	chr17:48348766-48358846	0.110104	0.133453	0.277468	1
XLOC_021536	LEPROTL1	chr8:29920257-30108213	9.72424	11.7867	0.277506	0.924847
XLOC_021684	PTDSS1	chr8:97274166-97346774	91.5317	110.95	0.27756	0.57472
XLOC_003782	ARHGAP42	chr11:100558406-1008616	0.283025	0.343085	0.277636	1
XLOC_008625	ATP6V0D1	chr16:67471916-67515089	59.2767	71.8568	0.277658	0.563967
XLOC_018684	HIST1H2BG	chr6:26216427-26216872	2.82396	3.42341	0.277715	0.917687
XLOC_018649	TBC1D7	chr6:13305183-13328787	5.6792	6.88507	0.277784	0.765576
XLOC_007226	LOC283663	chr15:57592562-57599967	0.164212	0.19908	0.277792	1
XLOC_007538	UBR1	chr15:43235097-43398286	1.25182	1.51775	0.277905	0.66921
XLOC_019026	OSTM1	chr6:108362612-10839594	2.86643	3.4756	0.278005	0.656493
XLOC_005973	PCCA	chr13:100741268-1012410	1.20418	1.46044	0.278356	0.90909
XLOC_006854	SPTB	chr14:65213000-65289866	0.632081	0.766653	0.278466	0.787909
XLOC_009996	SRSF2	chr17:74730196-74775336	82.6085	100.207	0.278621	0.621063
XLOC_022470	ANP32B	chr9:100745488-10077822	183.287	222.362	0.278808	0.573076
XLOC_006295	FITM1	chr14:24600674-24602058	1.02958	1.24908	0.278808	0.921047
XLOC_015852	CBLB	chr3:105377108-10558788	0.509064	0.617631	0.278897	0.830384
XLOC_012646	RQCD1	chr2:219433302-21946115	17.1051	20.7532	0.278908	0.580748
XLOC_020962	TRA2A	chr7:23544400-23571656	30.3176	36.7863	0.279012	0.561689
XLOC_008489	NUPR1	chr16:28548661-28550495	1.89269	2.29669	0.279122	0.898626
XLOC_022630	GTF3C5	chr9:135906061-13593389	93.2009	113.096	0.279137	0.558681
XLOC_006483	FOXN3-AS1	chr14:89622515-90085494	1.74432	2.11668	0.279144	0.977272
XLOC_015554	SSUH2	chr3:8661085-8693764	0.101754	0.12348	0.279195	1
XLOC_002284	TFB2M	chr1:246703862-24672956	14.5544	17.6624	0.279218	0.601762
XLOC_009642	DDX52	chr17:35972362-36003493	4.39475	5.3336	0.279328	0.630542
XLOC_005243	CHD4	chr12:6679247-6716551	15.9462	19.3544	0.279447	0.550919
XLOC_023123	MED27	chr9:134735496-13495527	50.0614	60.7639	0.279515	0.561603
XLOC_005813	SPATA13	chr13:24734860-24881212	1.4567	1.76854	0.279853	0.689101

XLOC_017474	LOC257358	chr5:169758434-169762104	0.022853	0.0277452	0.279858	1
XLOC_009835	SLC35B1	chr17:47778689-47785282	44.9269	54.549	0.279973	0.559828
XLOC_020345	IQCE	chr7:2598631-2654368	0.888529	1.07891	0.280081	0.757993
XLOC_008696	MPHOSPH6	chr16:82181766-82203829	19.4239	23.5911	0.280415	0.61004
XLOC_001510	EIF2B3	chr1:45316193-45452394	6.23044	7.56742	0.280466	0.653104
XLOC_017342	FAM53C	chr5:137673223-137685411	15.623	18.9761	0.280505	0.558681
XLOC_020994	GGCT	chr7:30536236-30544457	30.7161	37.3097	0.280555	0.609835
XLOC_007399	GDPGP1	chr15:90777486-90785312	0.680313	0.826369	0.280588	0.910175
XLOC_008691	CMC2	chr16:81009698-81066709	49.7404	60.4195	0.280596	0.832286
XLOC_018250	SNRPC	chr6:34724870-34741634	110.819	134.628	0.280764	0.561012
XLOC_010580	SLC44A2	chr19:10713120-10755235	18.0782	21.9637	0.280875	0.56432
XLOC_002754	BCCIP	chr10:127512103-12756988	51.0519	62.0269	0.280929	0.725703
XLOC_002329	FAM208B	chr10:5726800-5805703	2.42001	2.94036	0.280981	0.619231
XLOC_005941	CLN5	chr13:77566058-77576652	5.40509	6.56736	0.280994	0.627251
XLOC_007729	MESDC2	chr15:81268094-81282205	7.71631	9.37589	0.281045	0.578521
XLOC_004523	PPP2R1B	chr11:111473169-111637116	6.19287	7.52551	0.281181	0.759668
XLOC_012817	TP53I3	chr2:24300302-24308085	13.5065	16.4154	0.281399	0.649424
XLOC_007763	MRPL46	chr15:89002708-89010633	23.3121	28.3356	0.281539	0.618827
XLOC_018789	AGER	chr6:32148744-32152099	1.5965	1.94118	0.282021	0.821687
XLOC_001827	S100A11	chr1:152004981-152009517	778.563	946.663	0.282037	0.561264
XLOC_001617	FUBP1	chr1:78413590-78444777	18.5358	22.5385	0.282083	0.569697
XLOC_005319	MANSC1	chr12:12482217-12503169	3.76513	4.57883	0.282282	0.700075
XLOC_017842	LRRTM2	chr5:138089106-138270723	0.00687102	0.0083568	0.282427	1
XLOC_004345	ZDHHC24	chr11:66306734-66313671	32.6604	39.7248	0.2825	0.617065
XLOC_019140	RAET1G	chr6:150139893-150244214	0.509634	0.619933	0.282651	0.986822
XLOC_005404	RPAP3	chr12:48055714-48099844	4.48501	5.45584	0.282689	0.617038
XLOC_004769	GOLT1B	chr12:21654698-21671337	8.71038	10.5966	0.282801	0.579009
XLOC_013315	SUMO1	chr2:203070902-203103322	63.1306	76.8031	0.282824	0.553008
XLOC_013643	VSTM2L	chr20:36531498-36573747	0.0476211	0.0579356	0.282849	1
XLOC_006499	UBR7	chr14:93669236-93695561	9.08002	11.0472	0.282918	0.648914
XLOC_008130	NUP93	chr16:56764016-56878861	19.9199	24.2396	0.283154	0.543368
XLOC_013085	UXS1	chr2:106709758-106810795	9.16152	11.1482	0.283157	0.611988
XLOC_002248	SIPA1L2	chr1:232533711-232651243	0.32712	0.398099	0.283306	0.833863
XLOC_013411	LOC348761	chr2:231849082-231860747	0.0153761	0.0187129	0.283339	1
XLOC_015422	MFS1	chr3:158519714-158547508	12.052	14.669	0.283496	0.582142
XLOC_018531	GPR126	chr6:142623055-142767403	2.723	3.31508	0.283848	0.598722
XLOC_020422	PLEKHA8	chr7:30067976-30157961	2.13481	2.59917	0.283943	0.776787
XLOC_004098	SAAL1	chr11:18101889-18127638	19.3759	23.5928	0.284083	0.570526
XLOC_002581	IFIT3	chr10:91087601-91100725	0.298757	0.363822	0.28426	0.889644
XLOC_012949	C1D	chr2:68269331-68290159	19.3307	23.5409	0.284275	0.596925
XLOC_020930	LOC100131257	chr7:7115400-7136417	0.00429145	0.00522649	0.284378	1
XLOC_006766	BAZ1A	chr14:35221936-35344853	3.89385	4.74231	0.284393	0.585388
XLOC_000983	ADORA1	chr1:203096835-203136533	2.24018	2.72923	0.284875	0.771346
XLOC_012315	CNNM4	chr2:97426638-97477628	3.27206	3.98638	0.28488	0.647615
XLOC_004963	XPOT	chr12:64798152-64842463	16.3597	19.9313	0.284893	0.582397
XLOC_007610	BNIP2	chr15:59955061-59981642	11.0777	13.4965	0.284924	0.563736
XLOC_021336	DGKI	chr7:137074384-137531605	1.71509	2.0897	0.285012	0.69673
XLOC_013707	DDX27	chr20:47835831-47860614	11.4261	13.9239	0.285232	0.582397
XLOC_003153	PDZD8	chr10:119042605-11913493	1.6994	2.07093	0.285248	0.723055
XLOC_003738	ANKRD42	chr11:82905290-82960013	0.310263	0.378122	0.28536	0.885255
XLOC_021104	BCL7B	chr7:72950682-72972065	42.4468	51.7323	0.28541	0.536951
XLOC_009431	C1QBP	chr17:5289345-5342471	301.139	367.029	0.285462	0.697843
XLOC_003324	SNORA23	chr11:9406168-9469674	5.682	6.9254	0.2855	0.989719
XLOC_013320	GCSP3	chr2:206980296-206981296	1.99071	2.42661	0.285566	0.835721
XLOC_006786	FKBP3	chr14:45553301-45603732	33.7399	41.1291	0.285703	0.650127
XLOC_006059	HMG1B	chr13:31032878-31040081	74.8894	91.2909	0.28571	0.556835
XLOC_010065	B3GNTL1	chr17:80901666-81009686	4.82851	5.88645	0.28582	0.771945
XLOC_000615	PTGFRN	chr1:117452688-117532973	7.76519	9.46698	0.285883	0.558681
XLOC_020400	STK31	chr7:23749785-23872130	0.0435962	0.0531545	0.285989	1
XLOC_016067	NCEH1	chr3:172348434-172429008	1.88009	2.29235	0.286029	0.701005
XLOC_004277	SNORD22	chr11:62619459-62623360	38.4394	46.8685	0.286036	0.990857
XLOC_006332	PNN	chr14:39644386-39652422	15.504	18.9043	0.286072	0.551816
XLOC_009144	SNX11	chr17:46184919-46200105	8.69233	10.5992	0.286141	0.613093
XLOC_003618	SSSCA1	chr11:65337942-65339239	65.9056	80.3667	0.286197	0.609543
XLOC_004792	DDX11	chr12:31173696-31257725	11.5945	14.1399	0.286328	0.585481
XLOC_022397	PCSK5	chr9:78505559-78977255	1.62237	1.97857	0.286356	0.7578
XLOC_021410	XRCC2	chr7:152343586-152373253	0.915333	1.11637	0.286448	0.798355
XLOC_008375	CLDN6	chr16:3064712-3068188	0.123063	0.150096	0.286492	1
XLOC_016142	TCTEX1D2, TM4SF19	chr3:196018089-196065297	77.2277	94.1989	0.286593	0.543276
XLOC_007142	DISP2	chr15:40650433-40663256	0.704297	0.85915	0.286725	0.829181
XLOC_013926	CDK5RAP1	chr20:31946644-31989337	16.2469	19.8192	0.286736	0.563967
XLOC_013514	PRNP	chr20:4666796-4682234	28.6397	34.9375	0.286764	0.568626
XLOC_017641	C5orf34	chr5:43486802-43515273	2.32219	2.83297	0.286831	0.723754
XLOC_018054	SMIM13	chr6:11094265-11138969	2.64458	3.2263	0.286842	0.642142
XLOC_001231	CEP104	chr1:3728644-3773797	2.98975	3.6483	0.287199	0.610855
XLOC_023559	TMEM164	chrX:109245862-109421011	2.1356	2.60649	0.287468	0.672535
XLOC_000294	UTP11L	chr1:38478383-38490497	19.1563	23.3817	0.287562	0.549958
XLOC_018788	AGPAT1	chr6:32120578-32145888	34.0146	41.5174	0.287563	0.757054
XLOC_022662	PMPCA	chr9:139305115-139318213	114.194	139.386	0.287607	0.540351

XLOC_004790	LOC100287314	chr12:30948614-30955645	4.92429	6.01113	0.287719	0.701805
XLOC_013955	SAMHD1	chr20:35504569-35580246	1.01632	1.24076	0.287866	0.787681
XLOC_014630	TRMU	chr22:46731297-46753237	18.1405	22.1478	0.28795	0.574731
XLOC_020697	DNAJB9	chr7:108210188-108215294	10.0069	12.2176	0.287975	0.572896
XLOC_010682	GLT25D1	chr19:17666510-17693965	52.9723	64.6817	0.28812	0.544363
XLOC_007488	NOP10	chr15:34633916-34635362	467.999	571.457	0.288139	0.553477
XLOC_018581	ACAT2	chr6:160181290-160210735	12.5554	15.332	0.288236	0.960403
XLOC_001244	KLHL21	chr1:6650783-6662929	33.3365	40.7119	0.288347	0.540382
XLOC_010307	TMEM241	chr18:20875978-21017925	2.72859	3.3323	0.288361	0.701005
XLOC_015905	PARP9	chr3:122246759-122294045	1.63609	1.99824	0.28848	0.867317
XLOC_010461	ADAT3,SCAMP4	chr19:1905370-1926012	36.2982	44.3421	0.288778	0.640881
XLOC_000909	TDRD5	chr1:179560747-179660407	0.349747	0.427275	0.288853	0.860615
XLOC_013356	TNS1	chr2:218664511-218808796	0.127501	0.155766	0.288866	1
XLOC_020710	ST7	chr7:116592500-116870075	9.62426	11.758	0.288891	0.701805
XLOC_017061	NDUFS6	chr5:1801495-1816167	127.833	156.202	0.289149	0.545981
XLOC_013829	DDRGK1	chr20:3171011-3185295	87.3981	106.794	0.289157	0.532105
XLOC_008078	SLCSA2	chr16:31494438-31519706	0.176168	0.21529	0.289329	1
XLOC_008197	TANGO6	chr16:68877508-69119085	2.50396	3.06009	0.289362	0.633749
XLOC_004217	MED19	chr11:57471186-57479673	5.61742	6.86513	0.28938	0.695538
XLOC_007633	UBAP1L	chr15:65385341-65398697	1.01931	1.24575	0.289421	0.907689
XLOC_021263	GNPLA8	chr7:108110865-108168605	1.82256	2.22794	0.289747	0.664776
XLOC_018446	GTF3C6	chr6:111279762-111289097	52.1581	63.763	0.289828	0.525846
XLOC_016213	SH3TC1	chr4:8201059-8242830	3.74913	4.58338	0.289857	0.672097
XLOC_001442	PSMB2	chr1:36065142-36107445	30.829	37.6953	0.290094	0.531362
XLOC_021743	SQLE	chr8:126010719-126034525	17.1701	20.9953	0.290169	0.550662
XLOC_013850	TRMT6	chr20:5918485-5931173	9.50061	11.6181	0.290278	0.582309
XLOC_002165	LAMB3	chr1:209788217-209825825	64.4344	78.8019	0.290398	0.535638
XLOC_016464	GAR1	chr4:110736665-110745895	4.33693	53.0416	0.290451	0.553667
XLOC_015535	PIGX	chr3:196439244-196462875	4.07554	4.98461	0.290489	0.636219
XLOC_020646	SPDYE3	chr7:99905324-99965454	0.31052	0.379783	0.29049	0.976618
XLOC_005759	CLIP1	chr12:122755980-12290717	4.48366	5.48403	0.290559	0.553879
XLOC_018027	NQO2	chr6:3000066-3019994	91.3799	111.804	0.29102	0.524574
XLOC_012899	SRBD1	chr2:45615818-45838433	1.13363	1.38712	0.291134	0.749749
XLOC_008425	BCAR4	chr16:11913691-11922689	0.216528	0.264988	0.291377	1
XLOC_006349	TMX1	chr14:51706885-51724372	17.7383	21.7095	0.291459	0.521303
XLOC_019165	TCP1	chr6:160181290-160210735	86.2481	105.568	0.291606	0.578028
XLOC_000837	ATF6	chr1:161736033-161933865	7.32192	8.96309	0.291774	0.528511
XLOC_009845	LRRC59	chr17:48450580-48474914	42.0863	51.5208	0.291806	0.540505
XLOC_018463	RSPH4A	chr6:116937641-116954148	0.144444	0.176857	0.292073	1
XLOC_015617	SLC4A7	chr3:27414211-27525911	1.36969	1.67729	0.292274	0.651194
XLOC_019146	SYNE1	chr6:152442818-152958534	0.0109657	0.0134302	0.292486	1
XLOC_002355	SUV39H2	chr10:14920781-14946304	5.0525	6.18834	0.292554	0.619231
XLOC_016659	GRPEL1	chr4:7061779-7069800	60.5567	74.1808	0.292757	0.519452
XLOC_017840	HSPA9	chr5:137890570-137911318	157.098	192.492	0.293131	0.553756
XLOC_017833	FAM13B	chr5:137225124-137368802	2.15977	2.64696	0.293459	0.633936
XLOC_011054	EMC10	chr19:50970044-50986608	35.0925	43.0101	0.293512	0.540505
XLOC_020399	FAM221A	chr7:23719748-23742269	5.21751	6.39502	0.293589	0.699086
XLOC_005439	NCKAP5L	chr12:50184928-50222208	6.0951	7.47203	0.293851	0.580998
XLOC_017567	NSUN2	chr5:6599351-6633473	22.9866	28.1807	0.293911	0.524107
XLOC_016264	ZCCHC4	chr4:25314395-25372005	2.14076	2.62453	0.293939	0.708293
XLOC_001269	NPPA	chr1:11845786-11907840	0.172779	0.211831	0.293984	1
XLOC_000455	CTH	chr1:70876900-70905534	13.8105	16.9351	0.294258	0.665644
XLOC_012484	PSMD14	chr2:162164785-162268228	74.7972	91.7211	0.294271	0.518637
XLOC_011908	ZNF577	chr19:52359055-52391229	0.328856	0.40333	0.294503	0.939182
XLOC_012528	HOXD8	chr2:176994421-176997425	2.61619	3.20953	0.294899	0.752661
XLOC_013491	NOP56	chr20:2633177-2639039	75.3806	92.4893	0.295093	0.510728
XLOC_005113	OAS3	chr12:113376248-11341105	1.84894	2.26881	0.29524	0.633936
XLOC_003711	POLD3	chr11:74303574-74354105	1.87422	2.29988	0.295272	0.667693
XLOC_012060	DDX1	chr2:15731744-15771235	27.7304	34.0295	0.295316	0.509102
XLOC_009736	DNAJC7	chr17:40118758-40190044	31.9263	39.1833	0.29549	0.830321
XLOC_002408	ZNF37A	chr10:38383263-38412278	1.82344	2.23803	0.295566	0.602523
XLOC_023885	FAM120C	chrX:54094756-54209714	2.67192	3.28003	0.295831	0.869283
XLOC_009387	TSR1	chr17:2207247-2240678	20.0242	24.5824	0.295877	0.527529
XLOC_013848	LINC00654	chr20:5479217-5485242	0.0130126	0.0159749	0.295894	1
XLOC_003169	NSMCE4A	chr10:123716602-12373474	18.384	22.5757	0.296324	0.566357
XLOC_015767	RFT1	chr3:53122500-53164470	8.11113	9.96065	0.296336	0.521183
XLOC_022559	ARP5L	chr9:127631483-127639695	99.2668	121.903	0.29635	0.516001
XLOC_017024	MLF1IP	chr4:185570766-185655285	9.58826	11.7748	0.296368	0.605975
XLOC_005437	FAM186B	chr12:49976657-49999433	0.0946169	0.116209	0.296549	1
XLOC_001465	SF3A3	chr1:38422651-38455761	32.5158	39.9389	0.296655	0.518295
XLOC_010171	MAPRE2	chr18:32556891-32723432	2.9004	3.56262	0.296685	0.623126
XLOC_022052	IL7	chr8:79645006-79717758	0.728238	0.894522	0.296706	0.827888
XLOC_007980	ANKS4B	chr16:21245015-21263750	0.0113868	0.0139873	0.296762	1
XLOC_012591	NOP58	chr2:203130514-203168384	38.0706	46.7663	0.296794	0.502529
XLOC_017522	HNRNPAB	chr5:177631507-177659805	133.464	163.963	0.296919	0.553778
XLOC_006286	THTPA	chr14:23980968-24048009	9.39727	11.5462	0.2971	0.907969
XLOC_017746	GLRX	chr5:95149552-95158577	498.595	612.645	0.297184	0.5322
XLOC_010225	TNFRSF11A	chr18:59992519-60054943	0.866975	1.06533	0.297238	0.766657
XLOC_010836	RYR1	chr19:38924339-39078204	0.00442491	0.0054373	0.297243	1

XLOC_022981	MRPL50	chr9:104152248-104160911	40.7783	50.1189	0.297552	0.524713
XLOC_006210	KDEL1	chr13:103436630-10352831	4.2336	5.20347	0.297589	0.941619
XLOC_023779	GPR64	chrX:19007424-19140755	0.00660508	0.00811864	0.297662	1
XLOC_016907	SEC24D	chr4:119643977-119757321	3.39367	4.17177	0.297811	0.610481
XLOC_011898	LOC147646	chr19:51891542-51893828	0.050172	0.0616784	0.297883	1
XLOC_011463	DNASE2	chr19:12986024-12992335	40.7848	50.1439	0.298042	0.507287
XLOC_002174	INTS7	chr1:212113740-212278181	3.3232	4.0861	0.29815	0.85843
XLOC_020330	HEATR2	chr7:588833-826116	17.5743	21.6092	0.298174	0.71659
XLOC_021268	DOCK4	chr7:111366163-111846461	0.40137	0.49352	0.298176	0.762454
XLOC_001512	ZSWIM5	chr1:45482075-45672250	0.161833	0.198988	0.298178	1
XLOC_008778	PSMB6	chr17:4699438-4701798	234.01	287.74	0.298194	0.500068
XLOC_021740	NDUFB9	chr8:125551342-125562221	590.071	725.557	0.298199	0.519551
XLOC_017539	TRIM41	chr5:180650262-180662801	10.2177	12.5648	0.298319	0.553031
XLOC_020915	FBXL18	chr7:5515427-5553399	1.43072	1.75938	0.298319	0.666069
XLOC_010958	PPPS5	chr19:46850250-46894232	29.6497	36.4611	0.29834	0.51857
XLOC_001602	LRRC40	chr1:70610484-70671361	3.41723	4.20239	0.298386	0.628471
XLOC_016021	PLCH1	chr3:155197670-155421991	0.366094	0.45036	0.298866	0.788059
XLOC_001515	CCDC163P	chr1:45959597-45965751	1.07543	1.32325	0.298876	0.827718
XLOC_000191	TMEM57	chr1:25757387-25826698	5.02273	6.18163	0.299516	0.565086
XLOC_016453	GSTCD	chr4:106629940-106768881	1.63053	2.00689	0.299625	0.686575
XLOC_009828	SNF8	chr17:47007458-47022154	79.6022	97.9872	0.299786	0.507825
XLOC_000342	ATP6V0B	chr1:44440601-44443972	177.888	218.983	0.299851	0.507234
XLOC_008129	MT1X	chr16:56716381-56718108	1608.93	1980.76	0.299954	0.557891
XLOC_004747	ATF7IP	chr12:14518610-14651697	1.9144	2.35689	0.299994	0.644013
XLOC_011790	ZC3H4	chr19:47567446-47617009	5.55689	6.84187	0.300111	0.548279
XLOC_015683	CDC25A	chr3:48198667-48229801	6.40344	7.88459	0.300187	0.5661
XLOC_005545	ARHGAP9	chr12:57853917-57873633	0.077444	0.0953621	0.300262	1
XLOC_008770	SPNS3	chr17:4337218-4391499	0.314227	0.386951	0.300342	0.933023
XLOC_002217	PARP1	chr1:226548391-226595801	25.0251	30.822	0.300586	0.504447
XLOC_001587	ITGB3BP	chr1:63906440-63988944	15.4991	19.0912	0.300722	0.598176
XLOC_012950	WDR92	chr2:68357280-68384692	2.32069	2.85876	0.300833	0.713671
XLOC_007179	CKMT1A	chr15:43985083-43991420	0.0822673	0.101372	0.301271	1
XLOC_001420	TMEM234	chr1:32681797-32687926	4.96311	6.11583	0.301305	0.739919
XLOC_016054	LRRC34	chr3:169511215-169530574	1.24765	1.53744	0.301317	0.778996
XLOC_016709	TLR6	chr4:38825328-38858438	0.645587	0.795549	0.301341	0.726892
XLOC_020628	BUD31	chr7:99006600-99063824	63.6438	78.4349	0.301477	0.926225
XLOC_006374	PSMA3	chr14:58711522-58764855	73.1543	90.1585	0.301521	0.642142
XLOC_008301	LOC100128881	chr16:89773540-89883065	17.9293	22.1005	0.301761	0.880276
XLOC_014593	CCDC134	chr22:42196677-42222303	4.31617	5.32104	0.301956	0.737375
XLOC_009864	SRSF1	chr17:56078279-56084707	19.2327	23.7125	0.302084	0.511185
XLOC_004759	PLEKHA5	chr12:19282625-19529333	1.64303	2.02584	0.302168	0.67787
XLOC_022373	KGFLP1	chr9:46687556-46746820	0.139718	0.172278	0.302225	1
XLOC_010325	GAREM	chr18:29843483-30050447	0.345369	0.425905	0.302394	0.784181
XLOC_005452	SMAGP	chr12:51632507-51664202	151.366	186.691	0.302615	0.721048
XLOC_012070	LHLH29	chr2:23608297-23931483	2.95871	3.64968	0.302801	0.63573
XLOC_001054	RRP15	chr1:218458628-218511321	0.937034	1.15593	0.302883	0.63573
XLOC_004386	LOC100133315	chr11:71576554-71639493	0.372519	0.459543	0.302887	0.917639
XLOC_009109	ADAM11	chr17:42836567-42859214	2.68132	3.30772	0.302897	0.661548
XLOC_018129	HIST1H3H	chr6:27777841-27778314	2.12222	2.61827	0.303041	0.925534
XLOC_004238	MRPL16	chr11:59573607-59578345	63.6559	78.5405	0.303142	0.503721
XLOC_022815	FAM166B	chr9:35490006-35563896	0.693744	0.855969	0.303156	0.991767
XLOC_023880	HSD17B10	chrX:53458205-53461323	107.542	132.691	0.30317	0.481126
XLOC_009987	QRICH2	chr17:74270129-74303761	1.05322	1.29956	0.303208	0.714085
XLOC_020496	CCT6A	chr7:56119377-56131682	80.2203	98.9863	0.303261	0.508719
XLOC_011644	GGN	chr19:38874991-38878668	0.807031	0.995887	0.303357	0.902309
XLOC_018922	MCM3	chr6:52128811-52149679	28.6022	35.2974	0.303437	0.478792
XLOC_011619	ZNF565	chr19:36673186-36729675	0.609124	0.751757	0.303531	0.985587
XLOC_013483	RAD21L1	chr20:1206763-1235145	0.0152839	0.0188655	0.303744	1
XLOC_013820	SNRPB	chr20:2442280-2451499	449.891	555.39	0.303925	0.524009
XLOC_012042	CPSF3	chr2:9563665-9613239	20.355	25.1293	0.303988	0.504654
XLOC_021902	REEP4	chr8:21995532-21999448	51.3799	63.4335	0.30404	0.508132
XLOC_017224	XRCC4	chr5:82373316-82649579	5.81789	7.18362	0.304217	0.618966
XLOC_004752	STRAP	chr12:16035287-16056410	76.1917	94.0934	0.30446	0.508132
XLOC_016652	CRMP1	chr4:5822490-5894785	2.33336	2.88261	0.304966	0.698688
XLOC_020641	CNPY4	chr7:99690403-99723128	1.71583	2.11977	0.305004	0.990814
XLOC_008597	PRSS54	chr16:58283839-58328951	0.476438	0.588612	0.305028	0.961551
XLOC_003070	PIK3AP1	chr10:98353068-98480279	1.80776	2.23348	0.305091	0.648194
XLOC_023845	SLC35A2	chrX:48760458-48769235	15.6197	19.3001	0.305246	0.567852
XLOC_017098	TARS	chr5:33440801-33468196	49.3164	60.9448	0.305437	0.544179
XLOC_001239	ACOT7	chr1:6324331-6453826	98.683	121.956	0.305486	0.480501
XLOC_001390	RPA2	chr1:28218048-28241236	26.8477	33.1806	0.305544	0.504861
XLOC_000642	ITGA10	chr1:145524989-145543861	0.130889	0.16177	0.305601	1
XLOC_013534	MACROD2	chr20:13976145-16033841	0.00647933	0.00800947	0.305862	1
XLOC_003586	FKBP2	chr11:64008412-64011607	83.8371	103.649	0.306045	0.506591
XLOC_018324	SLC29A1	chr6:44187241-44201888	80.9921	100.139	0.306145	0.477677
XLOC_023581	WDR44	chrX:117480035-117583921	1.15096	1.42326	0.306354	0.693849
XLOC_002271	FH	chr1:241660856-241683081	47.6736	58.9522	0.306357	0.490428
XLOC_000480	SAMD13	chr1:84764048-84816481	0.131681	0.162855	0.306534	1
XLOC_022512	SLC31A1	chr9:115983807-116026771	14.6662	18.1404	0.30671	0.498057

XLOC_024177	BCAP31	chrX:152965946-15299020	224.067	277.145	0.306712	0.50004
XLOC_007182	WDR76	chr15:44119111-44160617	5.96182	7.37636	0.307155	0.527104
XLOC_010332	INO80C	chr18:33048290-33077955	11.548	14.2894	0.307301	0.648914
XLOC_015542	LRC3H3	chr3:197518144-197598456	1.38387	1.71241	0.307315	0.776353
XLOC_001913	GPATCH4	chr1:156564099-156571275	19.8693	24.5865	0.307324	0.473746
XLOC_014562	APOBEC3A,APOBEC3A_B,	chr22:39353526-39388784	16.3672	20.2537	0.307379	0.550445
XLOC_021201	MCM7	chr7:99690403-99723128	113.285	140.252	0.308065	0.648914
XLOC_012779	KIDINS220	chr2:8868986-8977755	2.19018	2.71176	0.308181	0.553466
XLOC_005232	C12orf4	chr12:4596900-4647637	1.56845	1.94206	0.30825	0.661548
XLOC_012242	ALMS1	chr2:73612885-73837046	0.551991	0.683507	0.308312	0.634201
XLOC_002998	USP54	chr10:75257295-75335433	0.94376	1.16866	0.30836	0.685156
XLOC_016409	MRPS18C	chr4:84377117-84406290	17.9173	22.1875	0.308395	0.708398
XLOC_007521	OIP5	chr15:41601465-41624819	10.0383	12.4315	0.308487	0.628541
XLOC_005904	SERPINE3	chr13:51915167-52027275	0.0390408	0.04835	0.308532	1
XLOC_022780	TOPORS	chr9:32540541-32553015	2.46071	3.04762	0.308606	0.65754
XLOC_013661	SRSF6	chr20:42086503-42092244	26.3874	32.6812	0.308612	0.466015
XLOC_005161	CCDC62	chr12:123259055-12331192	0.103973	0.128773	0.308623	1
XLOC_002274	MAP1LC3C	chr1:242158791-242162385	0.849995	1.05307	0.309008	0.881073
XLOC_005344	RECQL	chr12:21590537-21654603	4.82217	5.97469	0.30918	0.723011
XLOC_014940	PRRT3-AS1	chr3:9987225-9996471	4.78479	5.92854	0.309223	0.890355
XLOC_003541	TMEM138	chr11:61066918-61136975	16.0168	19.8469	0.309321	0.961737
XLOC_014382	SLC19A1	chr21:46934628-46962385	20.413	25.295	0.309368	0.532349
XLOC_004039	DCHS1	chr11:6642557-6677074	0.0284824	0.0353019	0.309678	1
XLOC_009433	DERL2	chr17:5377612-5389494	28.8901	35.813	0.309907	0.531076
XLOC_005674	CRY1	chr12:107385142-10748763	8.96533	11.116	0.310213	0.52114
XLOC_020792	SSBP1	chr7:141438120-141450288	247.336	306.691	0.31031	0.499152
XLOC_017129	FST	chr5:52776263-52782304	0.0232043	0.0287728	0.310316	1
XLOC_002802	IL15RA	chr10:5994333-6020150	13.2125	16.3875	0.310691	0.588606
XLOC_023485	PBDC1	chrX:75392770-75398033	19.8435	24.6147	0.310857	0.5153
XLOC_015125	RAD54L2	chr3:51575595-51697612	0.244905	0.303839	0.311087	1
XLOC_015192	LOC401074	chr3:75721431-75728454	0.103108	0.127925	0.311151	1
XLOC_015108	RNF123	chr3:49726949-49761384	8.26657	10.2572	0.311279	0.625
XLOC_005233	AKAP3	chr12:4724675-4754343	0.198224	0.246031	0.311711	1
XLOC_004113	LOC100126784	chr11:19372270-20143147	2.77578	3.44574	0.311922	0.929478
XLOC_012877	SRSF7	chr2:38970740-38978636	44.6727	55.4651	0.312189	0.474913
XLOC_000092	TNFRSF8	chr1:12123433-12204264	0.275611	0.342353	0.312855	1
XLOC_018309	SRF	chr6:43138919-43149244	24.4183	30.3366	0.313093	0.466015
XLOC_003140	ZDHHC6	chr10:114190057-11420667	14.9001	18.5137	0.313267	0.504108
XLOC_023723	BRCC3	chrX:154299694-15435134	2.91741	3.62494	0.313272	0.583291
XLOC_012073	FKBP1B	chr2:24272583-24286550	0.0469436	0.0583306	0.313325	1
XLOC_006855	GPX2	chr14:65381078-65569413	0.0373361	0.0463969	0.313457	1
XLOC_018269	CDKN1A	chr6:36644236-36655116	73.9632	91.914	0.313478	0.473105
XLOC_011788	AP2S1	chr19:47341422-47354203	184.953	229.903	0.313869	0.46038
XLOC_017994	HNRNP1H	chr5:179041178-179050722	65.5607	81.5067	0.314086	0.474913
XLOC_005124	RNF172	chr12:117176095-11729143	1.96399	2.44236	0.314491	0.695737
XLOC_008845	PFAS	chr17:8152595-8173809	8.3164	10.3424	0.314536	0.48277
XLOC_016825	PLAC8	chr4:84011210-84035911	0.0699541	0.0870013	0.314627	1
XLOC_007657	CLN6	chr15:68499329-68522080	47.9453	59.6444	0.314997	0.464668
XLOC_006109	ZC3H13	chr13:46536313-46626894	0.854963	1.06358	0.315	0.653383
XLOC_005856	EXOSC8	chr13:37574677-37633850	33.5213	41.7034	0.315089	0.727901
XLOC_018473	ASF1A	chr6:119134611-119256327	4.86511	6.05363	0.315328	0.639984
XLOC_000561	SARS	chr1:109756514-109780804	160.123	199.25	0.315395	0.519452
XLOC_016470	APIAR	chr4:113152894-113191217	6.57306	8.17925	0.315403	0.537496
XLOC_001743	GDAP2	chr1:118406106-118472302	1.10816	1.37896	0.315408	0.754886
XLOC_016198	EVC	chr4:5712923-5816031	5.54266	6.89717	0.315425	0.512422
XLOC_016456	SGMS2	chr4:108745720-108836204	2.63745	3.28217	0.315506	0.528607
XLOC_020920	RSPH10B	chr7:5965776-6010314	0.0140114	0.0174376	0.315606	1
XLOC_023338	GPR82	chrX:41374188-41782287	0.00884392	0.011009	0.315925	1
XLOC_021242	DNAJC2	chr7:102937872-102985320	21.6039	26.8929	0.315929	0.827507
XLOC_023372	SUV39H1	chrX:48555130-48567406	9.44636	11.7593	0.315972	0.5209
XLOC_012393	FOXO4L1	chr2:114256660-114258727	0.54131	0.673861	0.315995	0.896528
XLOC_006432	PAPLN	chr14:73704204-73741347	0.120166	0.149603	0.316112	1
XLOC_002467	TFAM	chr10:60144902-60158990	6.08996	7.5824	0.316221	0.482416
XLOC_021103	BAZ1B	chr7:72854727-72936615	8.4495	10.5209	0.316321	0.466558
XLOC_021253	ATXN7L1	chr7:105245220-105517037	1.03219	1.28545	0.316563	0.835702
XLOC_012391	LOC654433	chr2:113973573-114036496	2.32827	2.89981	0.3167	0.910298
XLOC_002936	TIMM23	chr10:51592080-51623386	105.832	131.82	0.316791	0.462131
XLOC_021978	SLC20A2	chr8:42273979-42408140	5.42368	6.75653	0.317011	0.8433
XLOC_016756	IGFBP7	chr4:57845108-58071465	0.046045	0.0573667	0.31717	1
XLOC_008714	C16orf95	chr16:87336403-87351026	3.12377	3.8919	0.317189	0.79799
XLOC_023930	CITED1	chrX:71521487-71527037	10.5276	13.1181	0.317386	0.664397
XLOC_009101	C17orf53	chr17:42219273-42239844	4.47199	5.57304	0.317548	0.609835
XLOC_012986	MOB1A	chr2:74383210-74405995	20.2787	25.2726	0.317605	0.499123
XLOC_020381	TFAM	chr7:16793350-16824161	5.37935	6.70489	0.317783	0.602446
XLOC_017298	SLC12A2	chr5:127419482-127525380	1.52466	1.90047	0.317865	0.57289
XLOC_012695	PSMD1	chr2:231921577-232037540	19.6111	24.4503	0.318181	0.439482
XLOC_000213	SFN	chr1:27189632-27190947	66.744	83.2218	0.318324	0.457353
XLOC_023763	FANCB	chrX:14861528-14891184	0.368195	0.459161	0.318528	0.823379
XLOC_008945	NEK8	chr17:27055831-27069784	0.752387	0.938292	0.318563	0.807024

XLOC_015275	ARHGAP31	chr3:119013219-11913832	1.23715	1.54289	0.318615	0.616288
XLOC_001970	PVRL4	chr1:161040780-16105938	0.0751876	0.0937939	0.318999	1
XLOC_006709	PMRT5	chr14:23389732-23398661	59.8822	74.7101	0.319175	0.461117
XLOC_022295	ACER2	chr9:19408924-19452500	0.0893001	0.111418	0.319252	1
XLOC_010456	APC2	chr19:1450147-1479228	0.688427	0.858951	0.319273	0.965607
XLOC_017719	DHFR	chr5:79922044-80172634	12.84	16.0254	0.319713	0.754842
XLOC_008277	MAP1LC3B	chr16:87425800-87438380	69.8223	87.1489	0.319794	0.498433
XLOC_011964	HSPBP1	chr19:55773590-55791751	38.1191	47.579	0.319812	0.462301
XLOC_022156	HAS2	chr8:122625270-12265756	0.467341	0.583341	0.319864	0.817735
XLOC_011195	U2AF2	chr19:56165415-56186082	58.9519	73.5932	0.320035	0.450904
XLOC_023018	FAM225B	chr9:115867002-115873957	0.421922	0.526772	0.320204	0.783798
XLOC_006042	RNF6	chr13:26786904-26796508	10.7885	13.4707	0.320329	0.477155
XLOC_000862	SFT2D2	chr1:168195254-16821208	3.33898	4.16938	0.320425	0.768707
XLOC_023253	SHROOM2	chrX:9754495-9917481	0.520764	0.650387	0.320669	0.749883
XLOC_007889	KCTD5	chr16:2732494-2759031	26.3381	32.899	0.320893	0.46196
XLOC_003362	ZDHHC13	chr11:19138691-19197967	6.95629	8.68946	0.320948	0.52066
XLOC_012180	CHAC2	chr2:53897116-54087170	4.07643	5.09233	0.321021	0.935939
XLOC_016194	LOC100507266	chr4:4543857-4712664	0.176318	0.220304	0.321313	1
XLOC_015179	KBTBD8	chr3:67048726-67061632	0.91947	1.14898	0.321479	0.672217
XLOC_009929	PSMD12	chr17:65336618-65362721	29.9181	37.3879	0.32155	0.442936
XLOC_000539	SLC30A7	chr1:101361631-10144731	2.09322	2.61589	0.321578	0.532105
XLOC_008305	MC1R	chr16:89984286-89987385	2.26559	2.83131	0.321584	0.697216
XLOC_023922	BCYRN1	chrX:70430034-7048962	27.8779	34.8466	0.321895	0.986822
XLOC_015350	SRPRB	chr3:133502876-13354033	22.3922	27.9927	0.32205	0.443332
XLOC_015206	ARL6	chr3:97483594-97517373	1.09448	1.36867	0.322527	0.81082
XLOC_016143	UBXN7	chr3:196080368-19615934	1.67226	2.09143	0.322688	0.613617
XLOC_022300	MTAP	chr9:21802634-21865969	28.5332	35.6917	0.322943	0.454512
XLOC_001554	MAGOH	chr1:53692563-53793821	63.4543	79.3762	0.32299	0.626609
XLOC_002816	NUDT5	chr10:12171639-12292589	97.2899	121.729	0.323313	0.79799
XLOC_021477	C8orf48	chr8:13424351-13425797	2.25781	2.8254	0.32353	0.721071
XLOC_002762	GLRX3	chr10:131934638-1319786	105.158	131.629	0.323916	0.462417
XLOC_010840	NFKB1B	chr19:39369194-39399534	23.1473	28.9745	0.323944	0.877493
XLOC_009021	PSMB3	chr17:36909001-36920478	291.768	365.254	0.324079	0.450569
XLOC_000125	FBLIM1	chr1:16085254-16113084	0.355287	0.444777	0.324097	0.888528
XLOC_003119	PCGF6	chr10:105062552-1051108	8.51007	10.658	0.324691	0.520758
XLOC_008850	NTN1	chr17:8924858-9147317	2.78758	3.49121	0.324713	0.59346
XLOC_007566	SHC4	chr15:49115933-49255641	0.0201247	0.0252068	0.324843	1
XLOC_023421	TSR2	chrX:54466852-54471731	25.9606	32.5219	0.325085	0.461971
XLOC_001805	CTSX	chr1:150768683-150780917	1.10323	1.38232	0.325353	0.777454
XLOC_002992	DNAJC9	chr10:75002581-75007025	38.7382	48.5395	0.325401	0.462088
XLOC_005634	FGD6	chr12:95470524-95611240	0.0930438	0.11663	0.325954	1
XLOC_013221	SPC25	chr2:169727400-16974694	14.1745	17.7699	0.32613	0.493884
XLOC_017988	COL23A1	chr5:177664616-17801755	0.0243105	0.0304792	0.326242	1
XLOC_003551	FADS2	chr11:61595712-61634825	7.59301	9.52153	0.326521	0.513534
XLOC_013919	PDRG1	chr20:30532757-30539883	27.9399	35.0402	0.326682	0.458152
XLOC_021657	CA2	chr8:86376130-86393721	7.47019	9.36999	0.326902	0.549171
XLOC_013676	YWHA8	chr20:43514343-43537161	48.6387	61.0192	0.327161	0.416982
XLOC_003533	TMEM109	chr11:60681370-60690915	29.1725	36.6	0.327238	0.443332
XLOC_014327	PSMG1	chr21:40547371-40555440	66.4309	83.3668	0.327619	0.441724
XLOC_010999	SPHK2	chr19:49118583-49133663	8.80938	11.057	0.327851	0.897332
XLOC_008105	IRX5	chr16:54965110-54968395	0.45029	0.565425	0.328481	0.882012
XLOC_000640	RBM8A	chr1:145507556-14551607	22.4007	28.1316	0.328649	0.5152
XLOC_002864	MPP7	chr10:28339922-28571067	0.176513	0.221694	0.328795	1
XLOC_009734	KLHL11	chr17:40009798-40021629	0.360073	0.45232	0.329055	0.855712
XLOC_009072	COASY	chr17:40714091-40718299	46.5626	58.4919	0.329067	0.431019
XLOC_022712	GLIS3	chr9:3824127-4300035	0.0959096	0.120483	0.329081	1
XLOC_001478	BMP8B	chr1:40204516-40254533	0.827183	1.03931	0.329345	0.977103
XLOC_003321	TMEM9B-AS1	chr11:8986221-8997830	0.308074	0.387124	0.329521	0.928653
XLOC_008692	C16orf46	chr16:81087101-81110872	0.308382	0.387523	0.329562	0.88211
XLOC_009878	SKA2	chr17:57187307-57232800	16.5116	20.7499	0.329622	0.436134
XLOC_005540	TMEM194A	chr12:57449425-57472574	6.21914	7.81882	0.330235	0.450737
XLOC_017637	LOC100132356	chr5:43065288-43067073	0.160434	0.201707	0.330279	1
XLOC_008207	CLEC18A	chr16:69984607-69998250	0.20938	0.263279	0.330471	1
XLOC_006944	C14orf142	chr14:93669236-93695561	5.15092	6.47773	0.330659	0.929536
XLOC_010708	DDX49	chr19:19030483-19039442	33.0473	41.5801	0.331361	0.431637
XLOC_014522	LOC339666	chr22:32772650-32780329	0.171374	0.215687	0.33179	1
XLOC_016032	VEPH1	chr3:156977531-15722141	1.17645	1.48071	0.33185	0.870747
XLOC_000688	GABPB2	chr1:151043079-15109100	0.958615	1.20658	0.331899	0.772924
XLOC_014557	MAFF	chr22:38597938-38612517	39.5121	49.7431	0.3322	0.413605
XLOC_010141	SNRPD1	chr18:19192259-19210208	65.8365	82.8934	0.332369	0.426605
XLOC_002085	GLRX2	chr1:193065594-19307524	17.8656	22.4949	0.332414	0.553043
XLOC_003608	POLA2	chr11:65029431-65065088	9.06629	11.4157	0.332441	0.473746
XLOC_016816	HNRNPD	chr4:83274466-83295149	119.7	150.727	0.332514	0.433739
XLOC_004322	SLC25A45	chr11:65142662-65150142	1.31038	1.65035	0.332777	0.773127
XLOC_011152	MYADM	chr19:54369610-54379689	42.5	53.5292	0.332864	0.411459
XLOC_022468	NCBP1	chr9:100263461-10043602	10.8921	13.7193	0.332921	0.549068
XLOC_001191	C1orf159	chr1:1017197-1051736	13.8304	17.4225	0.33311	0.53058
XLOC_011786	SLC1A5	chr19:47278139-47291842	213.381	268.815	0.333181	0.483752
XLOC_006376	TOMM20L	chr14:58862643-59015549	1.05963	1.33501	0.333302	0.986822

XLOC_006500	UNC79	chr14:93799564-94173689	0.00386366	0.00486843	0.333487	1
XLOC_018512	TBPL1	chr6:134273307-134308638	8.11874	10.2319	0.333749	0.559828
XLOC_006470	SLIRP	chr14:78174413-78183941	282.833	356.462	0.333799	0.424017
XLOC_005266	C3AR1	chr12:8210918-8218955	0.151121	0.190462	0.333802	1
XLOC_001569	DMCR24	chr1:55315299-55352921	42.9168	54.0913	0.333854	0.424147
XLOC_004771	CHAS	chr12:22199109-22218606	15.8167	19.9377	0.334053	0.454392
XLOC_020632	ZNF655	chr7:99156044-99174076	17.3446	21.8656	0.334178	0.748691
XLOC_014762	KIAA1656	chr22:30727976-30773894	0.520442	0.656104	0.334186	0.979701
XLOC_017771	TRIM36	chr5:114460458-114516243	1.97558	2.49122	0.33458	0.556185
XLOC_016864	H2AFZ	chr4:100869243-100871512	457.045	576.389	0.334707	0.44093
XLOC_005145	HNF1A	chr12:121416548-12144037	0.485542	0.612462	0.335024	0.830321
XLOC_014027	DPM1	chr20:49551404-49575060	37.3432	47.1053	0.335043	0.409587
XLOC_001516	PRDX1	chr1:45965855-45988562	458.108	577.996	0.335371	0.435611
XLOC_011516	HAUS8	chr19:17160570-17186343	10.1517	12.8095	0.335501	0.527259
XLOC_010929	TOMM40	chr19:45394476-45406946	104.781	132.216	0.335517	0.409587
XLOC_013419	PDE6D	chr2:232597146-232645974	9.26571	11.6918	0.335522	0.56719
XLOC_013968	SNORA71D	chr20:37049238-37064018	3.82465	4.82725	0.335872	0.981884
XLOC_000302	MFSD2A	chr1:40420783-40435628	10.2985	12.9996	0.336038	0.509535
XLOC_011156	CACNG6	chr19:54495541-54515920	0.0359333	0.0453618	0.336154	1
XLOC_020573	LOC100133091	chr7:76178657-76257299	3.48755	4.40316	0.336326	0.842158
XLOC_016026	SSR3	chr3:156257928-156272973	217.043	274.091	0.336673	0.471178
XLOC_011412	DNMT1	chr19:10244021-10305755	17.3011	21.8505	0.336802	0.39392
XLOC_009197	RADS1C	chr17:56769962-56811692	21.438	27.0766	0.336879	0.57061
XLOC_016141	PCYT1A	chr3:195965252-196014584	6.61778	8.35955	0.337077	0.565929
XLOC_003860	C2CD2L	chr11:118978092-11898782	6.50282	8.21674	0.337501	0.511917
XLOC_012788	NOLW	chr2:10710891-10830113	6.02017	7.607	0.337523	0.470491
XLOC_012367	SOWAHC	chr2:110371910-110376564	6.7351	8.51281	0.337937	0.462131
XLOC_016147	CEP19	chr3:196433147-196439123	0.380944	0.48153	0.338047	0.844829
XLOC_022168	MTSS1	chr8:125563027-125740730	1.89229	2.3921	0.338146	0.563736
XLOC_008646	NQO1	chr16:69743303-69760533	19.3256	24.4356	0.338467	0.417856
XLOC_022510	FAM225A	chr9:115875175-115882126	0.724371	0.91595	0.338539	0.682587
XLOC_001245	DNAJC11	chr1:6684924-6761966	17.1081	21.6344	0.338647	0.573076
XLOC_007970	TMC5	chr16:19422056-19510434	1.42925	1.80739	0.338649	0.637163
XLOC_023134	MED22	chr9:136207754-136214972	40.9984	51.8608	0.339077	0.562177
XLOC_004011	HBG2	chr11:5274420-5276011	0.69079	0.873829	0.339104	0.910156
XLOC_018093	HIST1H4A	chr6:26021906-26022278	0.468252	0.592598	0.339769	0.96275
XLOC_006862	TMEM229B	chr14:67936982-67982021	0.290994	0.368306	0.339915	0.831797
XLOC_022418	CTSL1	chr9:90340973-90346384	107.328	135.861	0.340114	0.411923
XLOC_013390	AP1S3	chr2:224620046-224702318	0.00811824	0.0102777	0.340286	1
XLOC_020652	FBXO24	chr7:100183955-100205798	0.286843	0.363149	0.340298	0.982154
XLOC_007185	EIF3J	chr15:44829265-44955876	13.8637	17.552	0.340318	0.622934
XLOC_019092	SLC2A12	chr6:134308718-134373788	0.59216	0.750005	0.340914	0.679514
XLOC_011769	MYPOP	chr19:46393280-46405862	11.0124	13.949	0.341026	0.554478
XLOC_021434	MYOM2	chr8:1993157-2093380	0.0313773	0.0397497	0.341222	1
XLOC_005616	DUSP6	chr12:89741836-89746296	17.5005	22.1706	0.341254	0.469503
XLOC_007659	ANP32A	chr15:69070874-69113261	48.1221	60.9663	0.341314	0.393354
XLOC_006032	MIFEP	chr13:24304327-24471125	10.1655	12.8801	0.341469	0.464668
XLOC_015164	PTPRG	chr3:61547242-62304622	1.2631	1.60061	0.341651	0.57271
XLOC_018187	TCF19	chr6:31126302-31131992	8.5535	10.8416	0.341987	0.425716
XLOC_014949	HRH1	chr3:11178778-11304939	1.91665	2.42939	0.342039	0.574061
XLOC_017933	C1QTNF2	chr5:159774774-159797648	1.17044	1.48361	0.342065	0.730089
XLOC_023879	SMC1A	chrX:53401069-53449618	4.63066	5.86975	0.342083	0.397773
XLOC_001800	MCL1	chr1:150547026-150552214	69.3547	87.9283	0.342334	0.409267
XLOC_012869	EIF2AK2	chr2:37332283-37384190	2.44147	3.09592	0.34262	0.52724
XLOC_021893	PSD3	chr8:18384812-18871196	0.00536734	0.00680664	0.342736	1
XLOC_002703	NHLRC2	chr10:115614390-11567228	1.03538	1.31304	0.342745	0.574061
XLOC_000492	HS2ST1	chr1:87380334-87575681	3.45228	4.38011	0.34342	0.511816
XLOC_013715	CEBPB	chr20:48807119-48809227	88.0288	111.694	0.343499	0.474047
XLOC_004784	REP15	chr12:27849427-27850566	0.740801	0.940054	0.343657	0.832995
XLOC_011976	FIZ1	chr19:56102736-56110893	6.02356	7.64414	0.343737	0.569286
XLOC_006299	REC8	chr14:24641233-24658124	0.62049	0.787775	0.344376	0.979701
XLOC_022773	MOB3B	chr9:27325206-27529850	0.550264	0.698682	0.344512	0.686575
XLOC_018941	RAB23	chr6:57053581-57087078	1.72375	2.18902	0.344735	0.616214
XLOC_013765	NTSR1	chr20:61340188-61394123	7.60205	9.65686	0.345166	0.474386
XLOC_002403	CREM	chr10:35415768-35501886	18.5803	23.606	0.345382	0.491042
XLOC_015698	PRKAR2A	chr3:48788092-48885270	0.91495	1.16245	0.345408	0.744061
XLOC_021707	CTHRC1	chr8:104383742-104395233	0.0300616	0.0381976	0.345563	1
XLOC_006033	C1QTNF9B	chr13:24304327-24471125	0.360309	0.457875	0.345719	0.969075
XLOC_001560	HSPB11	chr1:54387233-54411288	36.4538	46.3268	0.345778	0.462958
XLOC_000183	GRHL3	chr1:24645811-24741587	0.00958561	0.0121823	0.345884	1
XLOC_013845	PCNA	chr20:5095598-5107268	83.1105	105.643	0.346101	0.419411
XLOC_001203	MRPL20	chr1:1334909-1342693	137.358	174.62	0.34628	0.448417
XLOC_016330	ARL9	chr4:57371374-57390058	0.234669	0.298402	0.346629	1
XLOC_009942	LINC00511	chr17:70594179-70636611	0.0353451	0.0449689	0.347417	1
XLOC_011243	ZNF8	chr19:58790317-58807254	2.05594	2.61581	0.347455	0.663562
XLOC_018832	FKBP5	chr6:35541361-35704724	6.1014	7.76314	0.3475	0.418251
XLOC_016997	C4orf27	chr4:170650618-170679093	14.9066	18.9673	0.347563	0.445736
XLOC_011020	ALDH16A1	chr19:49956472-49974305	9.99798	12.722	0.347611	0.454301
XLOC_024073	ENOX2	chrX:129757356-130037201	1.17699	1.49772	0.347663	0.614509

XLOC_002371	ARL5B	chr10:18948312-18966940	2.33327	2.96978	0.348003	0.551547
XLOC_006879	MED6	chr14:71050956-71067384	16.085	20.4771	0.348293	0.442493
XLOC_018111	BTN2A3P	chr6:26421618-26430816	0.237813	0.302777	0.348426	1
XLOC_019020	RTN4IP1	chr6:107018902-10707737	2.98455	3.80086	0.348809	0.564578
XLOC_020458	MRPL32	chr7:42971938-42977453	58.7682	74.8543	0.349049	0.387393
XLOC_009881	PTRH2	chr17:57774666-57784856	44.2306	56.3385	0.349077	0.396027
XLOC_000087	AGTRAP	chr1:11796141-11810828	70.3714	89.665	0.349557	0.401371
XLOC_013760	ADRM1	chr20:60878026-60883918	137.399	175.128	0.350034	0.373076
XLOC_004101	HPS5	chr11:18300216-18343721	1.50268	1.91544	0.350137	0.559722
XLOC_010480	NCLN	chr19:3185874-3209573	47.178	60.1418	0.350254	0.37527
XLOC_005267	POU5F1P3	chr12:8276227-8291203	0.0424654	0.0541347	0.350265	1
XLOC_001025	G0S2	chr1:209848669-20984973	209.468	267.035	0.350302	0.404397
XLOC_022197	AGO2	chr8:141541263-14164564	17.3011	22.0582	0.35045	0.383974
XLOC_000431	EFCAB7	chr1:63989012-64038364	0.723096	0.92193	0.35047	0.756805
XLOC_001818	CELF3	chr1:151672533-151689290	0.0162452	0.0207137	0.350565	1
XLOC_015301	KALRN	chr3:123813557-12444003	0.0233013	0.0297129	0.350679	1
XLOC_008259	DNAAF1	chr16:84178864-84220676	0.0197319	0.0251622	0.350731	1
XLOC_017175	SMN2	chr5:70220767-70248842	3.78893	4.83196	0.350818	0.593539
XLOC_006052	SLC46A3	chr13:29274217-29293150	2.9357	3.74438	0.351022	0.556835
XLOC_016023	SLC33A1	chr3:155544300-15557224	4.06581	5.18772	0.351557	0.50726
XLOC_007314	COMMD4	chr15:75628373-75632614	127.617	162.844	0.351674	0.37652
XLOC_000436	CACHD1	chr1:64936475-65158741	1.13389	1.44698	0.351768	0.5777
XLOC_014350	WDR4	chr21:44263189-44299699	7.14603	9.11984	0.351867	0.583855
XLOC_001804	CTSS	chr1:150702671-15073843	0.024893	0.0317753	0.352161	1
XLOC_009758	BRC4A1	chr17:41196311-41277500	3.59132	4.5847	0.352313	0.457353
XLOC_017852	PFDF1	chr5:139624634-13968268	73.4808	93.8272	0.352638	0.370751
XLOC_014822	LOC400927	chr22:38740669-38794931	0.996599	1.27268	0.352789	0.919921
XLOC_022687	NDOR1	chr9:140100118-14011381	11.5269	14.7243	0.353202	0.401233
XLOC_015658	CDCP1	chr3:45123768-45187914	24.2328	30.9646	0.353659	0.358376
XLOC_022452	C9orf3	chr9:97488950-97849500	2.02789	2.59249	0.354363	0.595747
XLOC_024039	UPF3B	chrX:118967988-11898699	4.56247	5.83396	0.354661	0.491932
XLOC_006093	KBTD7	chr13:41765710-41768702	0.199266	0.254821	0.354789	1
XLOC_010167	MEP1B	chr18:29769986-29800366	0.0118941	0.0152122	0.354974	1
XLOC_009980	FBF1	chr17:73906617-73937119	1.13957	1.458	0.355508	0.682587
XLOC_017076	CCT5	chr5:10250281-10266501	72.6199	92.922	0.355656	0.370382
XLOC_005120	SDSL	chr12:113860215-1138760	27.7481	35.515	0.356038	0.395886
XLOC_014782	RFPL2	chr22:32586421-32600718	0.214391	0.274437	0.356232	1
XLOC_018099	HIST1H2BD	chr6:26158348-26171576	14.9187	19.1012	0.35654	0.67323
XLOC_004141	APIP	chr11:34903842-35017675	13.3917	17.1485	0.356751	0.713826
XLOC_002392	PDSS1	chr10:26986594-27150016	5.92344	7.58613	0.356928	0.904096
XLOC_021551	EIF4EBP1	chr8:37888019-37917883	303.679	388.95	0.357039	0.367367
XLOC_003137	RPL13AP6	chr10:112679300-1127734	0.327393	0.419357	0.357154	0.987627
XLOC_018585	IGF2R	chr6:160390130-16052755	4.96418	6.35991	0.357451	0.372206
XLOC_022931	IARS	chr9:94972489-95056038	64.883	83.1277	0.357489	0.390876
XLOC_021793	KIAA1875	chr8:145162628-14517321	0.0985432	0.126281	0.357807	1
XLOC_004478	MTMR2	chr11:95566043-95657371	5.85124	7.49868	0.357894	0.386151
XLOC_003548	DAGLA	chr11:61447904-61514474	1.15466	1.47982	0.357955	0.638092
XLOC_014888	C22orf26	chr22:46446338-46454402	0.224112	0.28725	0.358086	1
XLOC_011731	PLAUR	chr19:44150246-44174498	101.831	130.519	0.358087	0.348575
XLOC_009069	ATP6V0A1	chr17:40610861-40674597	10.1903	13.0624	0.358229	0.368292
XLOC_004571	DPAGT1	chr11:118967212-1189727	22.3305	28.6248	0.35825	0.371978
XLOC_007156	CHAC1	chr15:41245635-41248717	35.4125	45.4066	0.358642	0.540243
XLOC_005716	RBM19	chr12:114254542-1144041	12.0293	15.427	0.358896	0.363804
XLOC_021774	C8orf31	chr8:144120678-14413572	0.942789	1.20913	0.358958	0.781336
XLOC_003190	FAM196A	chr10:128594022-1292507	0.00757493	0.00971596	0.359124	1
XLOC_018095	HFE	chr6:26087508-26095469	1.1248	1.44279	0.359189	0.760508
XLOC_016649	STX18	chr4:4387982-4543775	13.9329	17.8735	0.359327	0.383463
XLOC_017689	GTF2H2	chr5:70330950-70363497	0.754448	0.967945	0.359505	0.746863
XLOC_018234	SLC39A7	chr6:33168602-33172214	44.6792	57.3285	0.35965	0.355297
XLOC_002188	EPRS	chr1:220046618-22032138	23.0056	29.522	0.359807	0.721117
XLOC_022189	ST3GAL1	chr8:134467090-13458418	5.4511	6.99642	0.36007	0.348762
XLOC_004549	PCSK7	chr11:117075787-1171028	7.88171	10.12	0.36063	0.409587
XLOC_009472	ALOXE3	chr17:7999217-8022234	4.79798	6.16125	0.360796	0.488518
XLOC_005646	ANKS1B	chr12:99039077-10037843	2.85717	3.66945	0.360975	0.759668
XLOC_018085	GMNN	chr6:24775158-24786325	20.9006	26.8446	0.361089	0.401647
XLOC_002945	ZWINT	chr10:58117198-58121034	29.4408	37.8272	0.361606	0.356014
XLOC_008120	MT1E	chr16:56659584-56661024	1544.25	1984.15	0.361612	0.36192
XLOC_001132	EXO1	chr1:242011492-24205324	5.34422	6.86744	0.361791	0.410986
XLOC_018435	LACE1	chr6:108616097-10884425	0.937194	1.20503	0.362644	0.714805
XLOC_012961	LOC100133985	chr2:70351167-70352448	1.93192	2.48453	0.362937	0.867828
XLOC_005134	CCDC64	chr12:120427647-1205322	1.16732	1.50124	0.362951	0.71659
XLOC_015229	FAM172BP	chr3:101237710-10124273	0.310256	0.399048	0.363103	0.832174
XLOC_009430	NUP88	chr17:5289345-5342471	23.1128	29.7338	0.363408	0.904096
XLOC_016034	LXN	chr3:158362316-15841036	8.45438	10.8764	0.363434	0.9799
XLOC_004877	HOXC13	chr12:54329111-54340328	0.303501	0.390458	0.363466	0.886459
XLOC_002639	DNMBP-AS1	chr10:101635333-1017696	0.0114649	0.0147502	0.363517	1
XLOC_012124	LCLAT1	chr2:30670122-30867091	2.95929	3.80844	0.363947	0.440324
XLOC_0017484	RPL26L1	chr5:172386438-17239677	70.2026	90.3547	0.364075	0.346277
XLOC_014137	HUNK	chr21:33245627-33376377	0.397194	0.511304	0.364338	0.702098

XLOC_003569	SLC3A2	chr11:62623483-62656355	201.087	258.868	0.364393	0.387314
XLOC_020406	LOC441204	chr7:26443107-26535986	0.0607775	0.0782459	0.364479	1
XLOC_000308	ZFP69B	chr1:40916336-40929390	1.13977	1.46766	0.364768	0.708345
XLOC_008221	MARVELD3	chr16:71660055-71675868	1.27326	1.63968	0.36489	0.705946
XLOC_013941	EIF6	chr20:33866708-33872619	240.4	309.601	0.364974	0.34675
XLOC_005724	TESC	chr12:117476727-11753725	44.8017	57.6999	0.365017	0.37535
XLOC_012837	SLC5A6	chr2:27422454-27440046	17.3098	22.2965	0.365227	0.735667
XLOC_013866	KIF16B	chr20:16252748-16554079	1.26009	1.62354	0.365617	0.547384
XLOC_018096	HIST1H4C	chr6:26104175-26104565	1.15419	1.48723	0.365748	0.929635
XLOC_020966	CYCS	chr7:25158269-25164980	21.1796	27.2936	0.365888	0.346589
XLOC_020521	TPST1	chr7:65670258-65825438	2.46992	3.18312	0.36598	0.602446
XLOC_006870	ERH	chr14:69846839-69865021	220.152	283.73	0.36602	0.356572
XLOC_007350	FAM154B	chr15:82555151-82577267	0.0350946	0.045235	0.36619	1
XLOC_015644	ULK4	chr3:41288089-42003660	0.314673	0.405602	0.36621	0.754984
XLOC_001858	S100A14	chr1:153586731-153588808	0.263225	0.33931	0.366304	1
XLOC_009079	WNK4	chr17:40932648-40949084	1.04944	1.35284	0.366371	0.664776
XLOC_023164	CARD9	chr9:139258407-139268133	1.25223	1.61425	0.366371	0.764136
XLOC_000364	NASP	chr1:46049659-46084578	43.7633	56.4318	0.366788	0.348909
XLOC_003932	LOC100133161	chr11:126986-131920	0.126936	0.163705	0.366997	1
XLOC_021650	FABP5	chr8:82192717-82197012	210.955	272.105	0.367226	0.34477
XLOC_008098	ADCY7	chr16:50321822-50352043	5.54397	7.15387	0.367802	0.374906
XLOC_018733	RNF39	chr6:30034931-30043628	0.0673926	0.0869703	0.367932	1
XLOC_000289	ZC3H12A	chr1:37940118-37949978	3.52538	4.54988	0.368047	0.559537
XLOC_019099	MTRFR2	chr6:136552167-136571445	10.4413	13.4814	0.368667	0.413338
XLOC_014375	C21orf67	chr21:46353198-46359828	1.4685	1.8961	0.368689	0.79799
XLOC_002473	ARID5B	chr10:63661012-63856707	0.189065	0.244139	0.368817	1
XLOC_024025	AMOT	chrX:112018104-11208404	0.22107	0.285535	0.369165	1
XLOC_009157	FLJ45513	chr17:47915670-47926199	0.0504763	0.0652037	0.369347	1
XLOC_005906	WDFY2	chr13:52158483-52336171	3.32078	4.29015	0.369505	0.46354
XLOC_014509	MORC2-AS1	chr22:31318294-31364187	0.788021	1.01809	0.369551	0.930066
XLOC_001470	GJA9_MYCBP	chr1:39328161-39347298	8.14344	10.5246	0.370054	0.381083
XLOC_006023	N6AMT2	chr13:21303072-21348057	7.37979	9.53769	0.37006	0.562445
XLOC_001676	EXTL2	chr1:101337927-101360735	5.22506	6.75334	0.370153	0.393497
XLOC_002356	MEIG1	chr10:15001437-15014850	0.161313	0.208498	0.370165	1
XLOC_012687	SP140	chr2:231090444-231177930	0.117849	0.152342	0.370383	1
XLOC_001296	EPHA2	chr1:16450831-16482582	70.564	91.2262	0.370515	0.337663
XLOC_001498	EBNA1BP2	chr1:43629844-43720029	74.0954	95.8079	0.370776	0.315903
XLOC_009919	SMURF2	chr17:62540734-62658386	67.5262	87.3171	0.370817	0.362161
XLOC_016745	CHIC2	chr4:54875957-54930815	16.6237	21.4958	0.370819	0.443848
XLOC_021872	FAM90A2P	chr8:12030962-12034776	0.0574573	0.0743014	0.3709	1
XLOC_003804	ZC3H12C	chr11:109964086-11004255	0.72034	0.931777	0.371306	0.525646
XLOC_014804	TMPRSS6	chr22:37461478-37499693	0.0386101	0.0499574	0.371721	1
XLOC_013521	MCM8	chr20:5931297-5975831	1.9722	2.55184	0.371734	0.507287
XLOC_012534	HNRNPA3	chr2:178077421-17808868	40.1003	51.8879	0.371786	0.327288
XLOC_017424	TCOF1	chr5:149737201-14977987	24.8601	32.1702	0.371893	0.310429
XLOC_010698	GDF15	chr19:18496967-18499986	151.6	196.187	0.371961	0.436887
XLOC_002346	CDC123	chr10:12171639-12292589	119.177	154.264	0.3723	0.561012
XLOC_014141	PAXBP1-AS1	chr21:34100424-34144169	0.0738379	0.0956116	0.372824	1
XLOC_009731	JUP	chr17:39910858-39942964	0.0206921	0.0268097	0.373674	1
XLOC_008918	DHRS7B	chr17:21030240-21095285	10.6755	13.8328	0.37379	0.400128
XLOC_016110	LPP-AS2	chr3:187868993-188608460	0.327609	0.42464	0.374264	0.977332
XLOC_016648	LYAR	chr4:4269428-4291896	23.0687	29.9082	0.374605	0.341634
XLOC_014191	SLC37A1	chr21:43919741-44001550	6.23764	8.08772	0.374734	0.429337
XLOC_012632	PKI55	chr2:217081611-217084915	1.30267	1.68916	0.374837	0.573076
XLOC_013436	COL6A3	chr2:238232654-23832285	0.00401604	0.00520804	0.374969	1
XLOC_002739	LOC399815	chr10:124591670-12465825	0.333127	0.432017	0.375015	0.947936
XLOC_022774	C9orf72	chr9:27546542-27573864	3.36579	4.36607	0.375392	0.475849
XLOC_011662	GMFG	chr19:39818998-39826726	0.28602	0.371239	0.376234	0.938566
XLOC_002084	UCHL5	chr1:192981495-193060900	9.63388	12.5121	0.377132	0.625
XLOC_000646	PDZK1	chr1:145727665-145764200	0.0712527	0.0925474	0.377249	1
XLOC_015454	KCNMB2	chr3:178254223-178562217	0.0108932	0.0141492	0.377282	1
XLOC_023833	CFP	chrX:47483611-47489704	0.215635	0.280096	0.377326	1
XLOC_000306	ZMPSTE24	chr1:40723721-40759856	8.18757	10.6363	0.377492	0.348762
XLOC_001769	CD160	chr1:145695797-145715565	0.150385	0.1954	0.377772	1
XLOC_001487	SLFN1	chr1:41480261-41707815	0.156485	0.203339	0.377864	1
XLOC_008781	C17orf107	chr17:4736634-4806369	0.126338	0.164172	0.377918	1
XLOC_015902	CCDC58	chr3:122078435-122102074	38.9202	50.5872	0.378252	0.342445
XLOC_013712	SLC9A8	chr20:48429249-48508779	2.94612	3.83062	0.378762	0.404194
XLOC_022348	MELK	chr9:36572858-36677680	10.222	13.297	0.379425	0.373076
XLOC_004766	SLCO1B1	chr12:21284127-21392730	0.0448254	0.0583381	0.380124	1
XLOC_014296	SNORA80	chr21:33664123-33765312	12.2882	15.9977	0.38059	0.986822
XLOC_005850	RFC3	chr13:34392205-34540695	5.95417	7.75499	0.381226	0.41086
XLOC_018268	SRSF3	chr6:36562089-36572244	67.6065	88.0611	0.381344	0.298162
XLOC_008668	TXNL4B	chr16:72118755-72146811	5.81631	7.57722	0.381564	0.868024
XLOC_013714	SNAI1	chr20:48599512-48605420	8.4952	11.0722	0.382228	0.48288
XLOC_012572	HSPE1_HSPE1-MOB4_MOB	chr2:198351307-19841842	334.107	435.497	0.382351	0.886662
XLOC_006726	ZFH2	chr14:23980968-24048009	0.154945	0.201983	0.382483	1
XLOC_018641	C6orf52	chr6:10671650-10695030	2.34835	3.0617	0.382681	0.793112
XLOC_021960	STAR	chr8:38000217-38008600	0.0787142	0.102664	0.383232	1

XLOC_006038	TPTE2P1	chr13:25502892-25542607	0.0108917	0.0142097	0.383653	1
XLOC_014220	LOC642852	chr21:46707966-46717269	0.733018	0.956575	0.38403	0.590286
XLOC_008028	RRN3P2	chr16:29086162-29128038	0.0551797	0.0720251	0.384361	1
XLOC_008652	LOC100506803	chr16:70323669-70380650	0.282652	0.369006	0.38462	0.965148
XLOC_002779	LOC619207	chr10:135267431-13528198	0.102262	0.133508	0.384644	1
XLOC_016103	RFC4	chr3:186501360-18652448	27.6632	36.1159	0.384666	0.943876
XLOC_022178	LOC100507117	chr8:131064350-131455906	0.0151239	0.0197453	0.384676	1
XLOC_022199	SLC45A4	chr8:142220869-14223867	4.56011	5.95365	0.384706	0.461971
XLOC_009995	JMJ06	chr17:74708913-74722881	22.692	29.6291	0.38483	0.349757
XLOC_007677	NPTN	chr15:73735498-73925753	19.4924	25.4518	0.384856	0.304248
XLOC_000675	PRPF3	chr1:150293927-15032570	9.09597	11.8771	0.384887	0.337233
XLOC_005119	PLBD2	chr12:113796370-1138274	8.13592	10.6262	0.385249	0.391018
XLOC_004354	PTPRCAP	chr11:67202980-67205153	1.53299	2.00228	0.385294	0.831797
XLOC_003981	CARS	chr11:3022151-3078681	27.0022	35.277	0.38565	0.3855
XLOC_016493	SPATA5	chr4:123844224-12424060	0.647913	0.846558	0.38581	0.53058
XLOC_001440	SFPQ	chr1:35649200-35658743	57.137	74.6618	0.385945	0.32849
XLOC_005388	PRICKLE1	chr12:42852139-42983572	0.00745858	0.00974718	0.386085	1
XLOC_005954	MIR17,MIR18A,M	chr13:92000073-92006829	4.45444	5.82248	0.386382	0.696468
XLOC_021008	DPY19L1	chr7:34968492-35077653	2.85383	3.73194	0.387027	0.396936
XLOC_000428	ATG4C	chr1:63249776-63330941	2.09184	2.73663	0.387629	0.49774
XLOC_023371	WAS	chrX:48542185-48549817	0.186938	0.24474	0.388688	1
XLOC_021095	TYW1B	chr7:72023728-72298813	0.849794	1.11301	0.389279	0.638499
XLOC_005295	MAGOHB	chr12:10756363-10766208	3.23178	4.23439	0.389827	0.420042
XLOC_018481	RNF217	chr6:125304513-12540466	0.450467	0.590353	0.390155	0.782186
XLOC_003687	KRTAP5-8	chr11:71249070-71250253	0.0872611	0.114366	0.390248	1
XLOC_014573	CACNA1I	chr22:39966757-40085740	0.00480618	0.00630179	0.39087	1
XLOC_019036	DDO	chr6:110713382-11073675	0.0198974	0.0260942	0.39115	1
XLOC_014648	KLHDC7B	chr22:50986461-50989452	0.0911297	0.119535	0.391441	1
XLOC_007957	C16orf45	chr16:15528324-15682116	0.0770849	0.101157	0.392069	1
XLOC_011302	SLC39A3	chr19:2732522-2740074	26.1938	34.3803	0.392353	0.468891
XLOC_013299	SATB2	chr2:200134222-20033748	1.1925	1.5654	0.392538	0.508234
XLOC_001914	NES	chr1:156638555-15664718	6.43488	8.45029	0.393087	0.297369
XLOC_008118	MT2A	chr16:56642477-56643409	6880.75	9042.26	0.394118	0.334518
XLOC_021992	ATP6V1H	chr8:54628102-54755871	31.7211	41.7024	0.394686	0.269877
XLOC_020664	TRIM56	chr7:100728785-10073388	1.39485	1.83422	0.395055	0.621939
XLOC_016699	LG12	chr4:25000470-25032414	0.159535	0.209794	0.395098	1
XLOC_015233	PDCL3P4	chr3:101431277-10143226	0.119202	0.156773	0.395269	1
XLOC_017327	DDX46	chr5:134094460-13416681	4.66269	6.13452	0.395788	0.286697
XLOC_023510	RPA4	chrX:95939661-96855597	0.252073	0.331671	0.395991	1
XLOC_016542	KIAA0922	chr4:154387497-15455786	2.31724	3.04965	0.39624	0.3855
XLOC_017258	TSLP	chr5:110405777-11041372	3.25258	4.28121	0.396433	0.535638
XLOC_011483	DDX39A	chr19:14519609-14530195	62.8589	82.7713	0.397013	0.264053
XLOC_004461	C11orf75	chr11:93211638-93276546	13.3939	17.6477	0.3979	0.413
XLOC_012483	TANK	chr2:161993465-16209268	6.18135	8.14538	0.39806	0.586532
XLOC_003085	GOT1	chr10:101156626-1011905	32.2285	42.4848	0.398608	0.390235
XLOC_009345	NPB	chr17:79860071-79869340	0.792556	1.04484	0.398703	0.985921
XLOC_016933	SLC7A11	chr4:138948576-13916350	1.72171	2.26995	0.398817	0.489264
XLOC_008144	GPR114	chr16:57576600-57611100	1.96984	2.59823	0.399449	0.498028
XLOC_010842	PAPL	chr19:39574944-39602128	12.4831	16.4684	0.399725	0.322165
XLOC_022161	ATAD2	chr8:124332090-12440870	10.5458	13.9131	0.399769	0.271828
XLOC_007261	ZWILCH	chr15:66797430-66857835	4.11428	5.42852	0.399919	0.369585
XLOC_006341	LRR1	chr14:50065414-50081390	15.0631	19.8758	0.399994	0.406712
XLOC_011402	ZNF121	chr19:9676291-9695209	1.12652	1.4867	0.400245	0.641563
XLOC_003033	KLLN	chr10:89618917-89623194	0.127954	0.1689	0.400543	1
XLOC_004429	ALG8	chr11:77726760-77850699	22.0397	29.0937	0.400603	0.682065
XLOC_007223	FLJ27352	chr15:55611132-55800432	0.977255	1.29037	0.400975	0.984917
XLOC_001477	HPCAL4	chr1:40144644-40157089	1.01351	1.33831	0.401042	0.553043
XLOC_021568	GINS4	chr8:41386724-41402565	4.77315	6.30422	0.401376	0.340882
XLOC_004317	CDC45	chr11:64844926-64851615	33.9893	44.8949	0.40147	0.258126
XLOC_005357	IFLTD1	chr12:25629015-25801496	0.0116289	0.0153612	0.401577	1
XLOC_000501	ZNF326	chr1:90460677-90494094	4.61219	6.0932	0.401749	0.339309
XLOC_019201	LINC00242	chr6:170188885-17020296	0.338054	0.446615	0.401777	0.83637
XLOC_012530	HOXD4	chr2:177016112-17701794	1.00381	1.32727	0.402982	0.80323
XLOC_022585	SLC27A4	chr9:131102838-13112374	45.3735	59.9969	0.403037	0.255272
XLOC_023708	SNORA70	chrX:153626570-15365006	58.2864	77.0767	0.403135	0.979733
XLOC_004680	CD4	chr12:6898637-6929976	0.0324362	0.0429067	0.403597	1
XLOC_004510	ALKBH8	chr11:107373452-10743644	0.836886	1.10712	0.403703	0.541307
XLOC_010252	FLJ44313	chr18:74207476-74210045	0.408083	0.539981	0.404047	0.79263
XLOC_005123	MAP1LC3B2	chr12:116997185-1170144	3.56529	4.71827	0.404237	0.63426
XLOC_024070	AIFM1	chrX:129263337-12929986	31.6146	41.862	0.405052	0.290517
XLOC_022033	SLCO5A1	chr8:70584567-70747299	1.92473	2.54885	0.40519	0.506721
XLOC_010008	LOC100653515	chr17:76849058-76921472	0.0180819	0.0239464	0.405266	1
XLOC_022394	ANXA1	chr9:75766780-75785307	222.933	295.464	0.406373	0.285663
XLOC_000927	LAMC2	chr1:183155173-18321426	0.109609	0.145309	0.406758	1
XLOC_004788	FAR2	chr12:29301935-29488549	2.73491	3.62752	0.407493	0.386513
XLOC_002357	OLAH	chr10:15085894-15115851	0.0366663	0.0486382	0.407635	1
XLOC_001035	DTL	chr1:212113740-21227818	6.30317	8.3613	0.407648	0.477937
XLOC_002852	PRTFDC1	chr10:25137553-25241533	4.75155	6.30322	0.40769	0.393779
XLOC_014416	RANBP1	chr22:20105023-20114704	146.324	194.117	0.407759	0.252815

XLOC_015434	SERPINI1	chr3:167453431-167543351	0.315611	0.418732	0.407877	0.806183
XLOC_014998	ZNF860	chr3:31702316-32033228	0.0488872	0.0649159	0.409115	1
XLOC_005066	TXNRD1	chr12:104609556-10474401	23.4609	31.1564	0.409269	0.252815
XLOC_012087	SLC35F6	chr2:26987141-27004099	16.8371	22.3606	0.40932	0.263759
XLOC_006142	THSD1	chr13:52951302-52980629	0.851953	1.13149	0.409379	0.61666
XLOC_020540	WBSCR22	chr7:73097897-73112551	101.112	134.384	0.410407	0.242372
XLOC_015556	RAD18	chr3:8918879-9005159	3.17674	4.22339	0.410853	0.292729
XLOC_017916	C5orf4	chr5:154198051-154230213	0.0114169	0.0151784	0.410855	1
XLOC_021058	SUN3	chr7:48026745-48068716	22.5234	29.9444	0.410859	0.293795
XLOC_011519	ABHD8	chr19:17402939-17414282	8.43124	11.2101	0.410983	0.443332
XLOC_016086	ABCC5	chr3:183637723-183735721	4.83137	6.42402	0.411044	0.52724
XLOC_000214	NUDC	chr1:27248212-27273362	381.248	507.022	0.411319	0.280816
XLOC_006422	ADAM21	chr14:70918873-70926622	0.0368877	0.0490864	0.412185	1
XLOC_001462	YRDC	chr1:38268613-38275126	26.4061	35.1405	0.412261	0.471747
XLOC_016623	CPDX1	chr4:778744-819945	5.00262	6.65785	0.412373	0.528992
XLOC_000626	PHGDH	chr1:120254418-120286848	116.064	154.509	0.412777	0.297247
XLOC_001504	SLC6A9	chr1:44457279-44497164	3.71576	4.9476	0.41307	0.923433
XLOC_010970	DHX34	chr19:47852537-47885961	9.89105	13.1704	0.413105	0.281159
XLOC_010178	MOCOS	chr18:33767479-33848685	13.7244	18.2761	0.413218	0.287787
XLOC_002636	ENTPD7	chr10:101419262-10151585	2.49618	3.3249	0.41359	0.838366
XLOC_013867	BFSF1	chr20:17474549-17539605	0.230584	0.307191	0.413843	1
XLOC_013552	RIN2	chr20:19867164-19983103	0.0411444	0.0548173	0.413936	1
XLOC_012771	RNASEH1	chr2:3592690-3605940	8.90871	11.874	0.414517	0.343319
XLOC_020736	FAM71F2	chr7:128312345-128323375	0.0475198	0.0633574	0.414984	1
XLOC_004837	AQP6	chr12:50366619-50370922	0.0153413	0.0204569	0.415168	1
XLOC_000430	ALG6	chr1:63833260-63904233	2.35735	3.1435	0.415206	0.39951
XLOC_023794	APOO	chrX:23851464-23926057	11.9063	15.8908	0.416472	0.344159
XLOC_016410	AGPAT9	chr4:84457066-84527027	5.5555	7.4161	0.416742	0.327838
XLOC_011308	DOHH	chr19:3490818-3500938	17.1889	22.9463	0.416784	0.327838
XLOC_022898	FRMD3	chr9:85857904-86153348	0.0165569	0.0221038	0.416863	1
XLOC_004998	GLIPR1L2	chr12:75784849-75826177	0.0796889	0.106405	0.41711	1
XLOC_017127	ITGA2	chr5:52285155-52390609	0.956335	1.27715	0.417335	0.387097
XLOC_016394	MRPL1	chr4:78783804-78873944	8.37187	11.1805	0.417368	0.360219
XLOC_018553	ULBP1	chr6:150285142-150294848	1.15721	1.54588	0.417769	0.542153
XLOC_017633	OXCT1	chr5:41730166-41870791	18.2862	24.4332	0.418085	0.229068
XLOC_009269	RAB37	chr17:72667255-72743474	0.0886912	0.118545	0.418568	1
XLOC_012475	GPD2	chr2:157291964-157442915	3.69827	4.94363	0.418721	0.255557
XLOC_017553	TERT	chr5:1253286-1295162	0.8401	1.12391	0.419898	0.655465
XLOC_000440	DNAJC6	chr1:65730376-65881552	1.51221	2.02344	0.420156	0.371978
XLOC_011351	ACER1	chr19:6306509-6333640	0.37333	0.499557	0.4202	0.877287
XLOC_011003	PPP1R15A	chr19:49375648-49379319	185.718	248.519	0.420244	0.267079
XLOC_009298	AANAT	chr17:74449432-74466199	0.130844	0.175104	0.420367	1
XLOC_010508	UHRF1	chr19:4909509-4962165	17.4981	23.4321	0.421287	0.230268
XLOC_010131	LDLRAD4	chr18:13218728-13652753	0.0554943	0.0743143	0.421301	1
XLOC_020992	FKBP14	chr7:30050198-30066417	2.16126	2.89441	0.421396	0.333419
XLOC_000229	SESN2	chr1:28585962-28609002	56.3042	75.4562	0.422398	0.365183
XLOC_002477	NRBF2	chr10:64893006-64914786	5.97161	8.00305	0.42243	0.34147
XLOC_007735	GOLGA6L10	chr15:82633122-82641706	0.0583822	0.0782574	0.422698	1
XLOC_020552	GTF2I	chr7:74072029-74175022	0.802094	1.07519	0.422752	0.534096
XLOC_015677	KIF9	chr3:47205859-47388306	0.860847	1.154	0.422809	0.912696
XLOC_004330	CFL1	chr11:65622284-65625804	697.377	934.875	0.422836	0.25986
XLOC_013350	MREG	chr2:216807313-216878346	4.8847	6.54934	0.423081	0.302567
XLOC_010241	CCDC102B	chr18:66382490-66722426	0.0401907	0.0538941	0.423265	1
XLOC_002315	ID12-AS1	chr10:1064846-1095061	1.38502	1.85777	0.423666	0.984917
XLOC_009884	TBC1D3P1-DHX40P1	chr17:58053384-58096336	0.0232541	0.0311964	0.423896	1
XLOC_012512	HAT1	chr2:172778934-172848601	23.204	31.1309	0.423972	0.214768
XLOC_019111	NHSL1	chr6:138743180-138893668	0.757827	1.0169	0.424232	0.486707
XLOC_013965	SNORA71B	chr20:37049238-37064018	3.93336	5.27986	0.424736	0.979638
XLOC_008809	EIF5A	chr17:7210317-7215782	829.856	1114.26	0.425152	0.272235
XLOC_016284	KLB	chr4:39408472-39453153	0.0406845	0.0546345	0.425333	1
XLOC_004865	SOAT2	chr12:53497273-53518323	0.141246	0.189916	0.427155	1
XLOC_017119	LOC153684	chr5:43042235-43045370	0.150495	0.202387	0.427401	1
XLOC_013652	ARHGAP40	chr20:37230576-37279295	1.37111	1.84395	0.427453	0.551176
XLOC_021720	RAD21-AS1	chr8:117858172-117889107	0.0658572	0.0885723	0.427514	1
XLOC_017096	NPR3	chr5:32710742-32791830	0.00670686	0.00902376	0.428091	1
XLOC_010500	CHAF1A	chr19:4402659-4443394	12.5388	16.8747	0.428462	0.224751
XLOC_009362	DOC2B	chr17:6010131420	0.854483	1.1502	0.428766	0.815979
XLOC_017197	IQAP2	chr5:75699148-76003957	0.00718825	0.00967685	0.428896	1
XLOC_016087	ALG3	chr3:183948316-183967313	61.2365	82.4445	0.429032	0.26832
XLOC_012605	NRP2	chr2:206547223-206662851	0.728786	0.981531	0.429539	0.495922
XLOC_012799	FAM49A	chr2:16730729-16847134	0.0242983	0.0327264	0.429597	1
XLOC_023304	POLA1	chrX:24712063-25015102	2.075	2.79487	0.429666	0.295409
XLOC_012250	MTHFD2	chr2:74425689-74442424	75.5686	101.789	0.429729	0.290328
XLOC_005947	RBM26-AS1	chr13:79980443-79998468	0.174132	0.234562	0.429786	1
XLOC_008782	GP1BA	chr17:4835591-4838325	0.120039	0.161706	0.429862	1
XLOC_022795	KIF24	chr9:34179002-34329198	0.620114	0.835444	0.43001	0.923451
XLOC_015524	FLJ34208	chr3:194207868-194209274	0.0568407	0.0765826	0.430091	1
XLOC_013086	RGPD3	chr2:107021135-107084801	0.0333259	0.0449098	0.43039	1
XLOC_013347	ABCA12	chr2:215796265-216003151	0.00325081	0.00438125	0.430545	1

XLOC_015639	CSRNP1	chr3:39183341-39195102	7.48829	10.1008	0.431766	0.285331
XLOC_007802	SNRPA1	chr15:101821714-10183544	46.8859	63.2576	0.432084	0.208452
XLOC_000114	TMEM51	chr1:15479027-15546974	4.86795	6.57089	0.432776	0.400128
XLOC_003343	PDE3B	chr11:14665268-14893604	0.863921	1.16628	0.432945	0.451219
XLOC_008413	EMP2	chr16:10622278-10674539	3.38501	4.57016	0.433086	0.275061
XLOC_004514	C11orf65	chr11:108253726-10833825	0.349796	0.47234	0.433315	0.830569
XLOC_023382	PPP1R3F	chrX:49126305-49144555	0.757416	1.02281	0.433338	0.650466
XLOC_018072	RNF144B	chr6:18387580-18469105	0.224394	0.303025	0.433401	1
XLOC_011342	PRR22	chr19:5782970-5784776	9.40807	12.7085	0.433821	0.425659
XLOC_008153	GIN53	chr16:58426297-58440048	5.65225	7.63953	0.434658	0.311781
XLOC_014475	CRYBB3	chr22:25595816-25603326	0.251663	0.340472	0.436039	1
XLOC_020572	UPK3B	chr7:76139744-76157199	1.17084	1.58439	0.436389	0.711277
XLOC_007881	C16orf59	chr16:2510114-2514964	9.01931	12.2072	0.436647	0.366269
XLOC_003978	PHLDA2	chr11:2949502-2950650	100.933	136.679	0.437396	0.216565
XLOC_004776	RASSF8	chr12:26107587-26232825	0.115756	0.156757	0.437445	1
XLOC_021377	CTAGE4	chr7:143955788-143983096	0.0852809	0.115498	0.437579	1
XLOC_004075	SNORD97	chr11:10818592-10830582	5.8278	7.8939	0.437787	0.979701
XLOC_003816	DIXDC1	chr11:111797867-11189330	0.75916	1.02882	0.438582	0.489015
XLOC_011436	CCDC151	chr19:11531271-11545980	0.489758	0.663777	0.438663	0.767909
XLOC_012162	CAMKMT	chr2:44589042-44999731	2.63873	3.57653	0.438716	0.487792
XLOC_020605	MGC16142	chr7:92167788-92169079	0.859984	1.1657	0.438816	0.689384
XLOC_001634	COL24A1	chr1:86194915-86621211	0.00380908	0.00516324	0.438835	1
XLOC_001008	RASSF5	chr1:206680878-206762616	0.49506	0.671182	0.439099	0.651901
XLOC_020971	HNRNPA2B1	chr7:26229555-26240413	140.14	190.028	0.439341	0.220188
XLOC_021060	FIGLN1	chr7:50511831-50518088	2.66586	3.61598	0.439784	0.307454
XLOC_013665	MYBL2	chr20:42295708-42345122	17.7643	24.0965	0.439841	0.194686
XLOC_009213	TBX2	chr17:59477256-59486827	0.080809	0.109634	0.440102	1
XLOC_022984	GRIN3A	chr9:104331633-10450086	0.04063	0.0551477	0.440756	1
XLOC_016958	NR3C2	chr4:148999914-14936367	0.206878	0.280821	0.440874	1
XLOC_010664	KLF2	chr19:16435650-16438339	37.2541	50.5771	0.441085	0.279241
XLOC_015384	C3orf58	chr3:143690639-143711210	2.43651	3.30832	0.441279	0.338322
XLOC_021935	FBXO16	chr8:28285925-28347835	0.738312	1.00263	0.441486	0.716391
XLOC_020518	VKORC1L1	chr7:65338256-65419800	7.97222	10.8311	0.442131	0.377178
XLOC_015526	FAM43A	chr3:1944406621-194409766	3.09644	4.20822	0.4426	0.458034
XLOC_022912	LOC440173	chr9:89623365-89657041	0.0247981	0.033729	0.443763	1
XLOC_023787	SCARNA9L	chrX:20142635-20159966	0.962384	1.30919	0.443986	0.980663
XLOC_023291	YY2	chrX:21857655-21903541	0.497556	0.677327	0.444994	0.912776
XLOC_005838	ALOX5AP	chr13:31287614-31338565	0.0435773	0.0593399	0.445425	1
XLOC_009183	ANKFN1	chr17:54230835-54560007	0.0677962	0.092342	0.445782	1
XLOC_018688	HIST1H3G	chr6:26271145-26271612	1.29987	1.77061	0.445882	0.881618
XLOC_012672	SGPP2	chr2:223289321-223423617	0.703262	0.958203	0.446268	0.773969
XLOC_005093	TCHP	chr12:110338078-11035558	3.87141	5.27487	0.446276	0.298465
XLOC_012269	DNAH6	chr2:84743578-85046713	0.0176574	0.0240621	0.446493	1
XLOC_008258	NECAB2	chr16:84002236-84036379	0.109365	0.149068	0.446813	1
XLOC_013407	SLC16A14	chr2:230899689-230933715	2.3427	3.19334	0.446896	0.296942
XLOC_013282	TMEM194B	chr2:191371618-191399468	9.27774	12.6512	0.447434	0.205713
XLOC_008017	APOBR	chr16:28505969-28510291	0.0302171	0.0412117	0.447692	1
XLOC_003199	BNIP3	chr10:133781203-1337954	0.033455	0.0456379	0.44801	1
XLOC_008718	SLC7A5	chr16:87863628-87903100	86.7115	118.305	0.448212	0.273055
XLOC_007413	SLCO3A1	chr15:92396937-92715665	1.97591	2.69589	0.448241	0.497634
XLOC_024103	CXorf48	chrX:134290460-13430575	0.00995028	0.0135767	0.448325	1
XLOC_021303	RBM28	chr7:127950435-12798396	17.6453	24.0855	0.448879	0.187039
XLOC_002670	SFXN2	chr10:104474297-1044989	5.74399	7.84367	0.449477	0.275259
XLOC_016385	C4orf26	chr4:76481257-76491103	0.0256163	0.0349812	0.449517	1
XLOC_007742	CEPB1	chr15:83211950-83378635	0.0111201	0.0151883	0.449789	1
XLOC_016588	TENM3	chr4:183245136-18372417	0.192485	0.262913	0.449842	1
XLOC_011720	PSG5	chr19:43671894-43690688	0.0187496	0.02562	0.450415	1
XLOC_004080	DKK3	chr11:11984542-12030917	0.158811	0.217043	0.450665	1
XLOC_017020	ENPP6	chr4:185009858-18513911	0.0317919	0.0434604	0.451044	1
XLOC_003894	NRGN	chr11:124609828-12461710	16.8732	23.0693	0.451241	0.326015
XLOC_007195	C15orf48	chr15:45722726-45725647	0.0996097	0.136199	0.451356	1
XLOC_021314	TMEM209	chr7:129804554-129845338	5.68077	7.77051	0.451924	0.22859
XLOC_018896	TCTE1	chr6:44247896-44265458	0.0825505	0.112922	0.451973	1
XLOC_020427	GARS	chr7:30634180-30673648	70.4381	96.4142	0.452891	0.274884
XLOC_010264	PARD6G-AS1	chr18:77905806-78005397	0.463737	0.634909	0.453245	0.976595
XLOC_002792	KLF6	chr10:3818187-3827473	8.81476	12.0694	0.453355	0.190553
XLOC_020953	MACC1	chr7:20174278-20257013	0.00712935	0.00976192	0.453394	1
XLOC_007666	THAP10	chr15:71173680-71184772	0.873999	1.19756	0.454394	0.669766
XLOC_012210	SLC1A4	chr2:65215578-65251000	8.36723	11.4692	0.454942	0.254449
XLOC_007388	INS20	chr15:89182038-89198879	40.219	55.1337	0.455057	0.212535
XLOC_011085	ZNF528	chr19:52901120-52921657	0.0176209	0.0241731	0.456119	1
XLOC_001671	FRRS1	chr1:100111430-100231345	0.436263	0.598787	0.456846	0.663653
XLOC_015255	C3orf52	chr3:111805181-11183707	6.30651	8.65896	0.457351	0.266383
XLOC_001427	YARS	chr1:33240839-33324480	59.1017	81.1672	0.457696	0.255272
XLOC_017467	FBLL1	chr5:167956581-167957635	0.245758	0.337532	0.457789	1
XLOC_008707	GIN52	chr16:85711279-85722588	24.786	34.0508	0.458166	0.19909
XLOC_004850	SLC4A8	chr12:51745832-51909547	0.881839	1.21207	0.458889	0.823299
XLOC_013478	TRIB3	chr20:361307-378203	120.613	165.921	0.460111	0.343415
XLOC_011942	LILRB3	chr19:54720146-54726959	0.025214	0.0346934	0.460438	1

XLOC_007377	ALPK3	chr15:85359910-85416713	0.0305658	0.0420663	0.460747	1
XLOC_010519	LOC100128568	chr19:5978413-6110664	0.0657328	0.0905159	0.461557	1
XLOC_008374	PKMYT1	chr16:3019341-3030540	55.1527	75.9628	0.461862	0.395326
XLOC_008756	SRR	chr17:2207247-2240678	0.698818	0.962686	0.462149	0.979875
XLOC_005819	PABPC3	chr13:25670275-25672704	0.0263085	0.0362448	0.462245	1
XLOC_010904	PINLYP	chr19:44080951-44086256	0.782885	1.07863	0.462332	0.855293
XLOC_005832	ATP5EP2	chr13:28519342-28519710	0.896653	1.23589	0.462929	0.895883
XLOC_013768	COL9A3	chr20:61448413-61493115	12.5749	17.3354	0.463179	0.452355
XLOC_022601	DOLPP1	chr9:131843382-131852717	18.356	25.3087	0.463383	0.170977
XLOC_008278	JPH3	chr16:87635440-87731761	0.0412545	0.0568913	0.463654	1
XLOC_021529	ESCO2	chr8:27632057-27662424	2.54412	3.50846	0.463668	0.269734
XLOC_021724	SAMD12-AS1	chr8:119201694-119738300	0.0854461	0.117935	0.464901	1
XLOC_021819	ANGPT2	chr8:6264112-6501140	0.0130681	0.018047	0.465706	1
XLOC_005184	LINC00507	chr12:128399954-12843600	0.0395602	0.0547008	0.46751	1
XLOC_018552	ULBP2	chr6:150263135-150270368	12.597	17.423	0.46792	0.227422
XLOC_007149	RAD51	chr15:40987326-41024356	7.27854	10.0681	0.468078	0.21543
XLOC_021540	UBXN8	chr8:30601689-30624520	5.70633	7.8949	0.468357	0.293966
XLOC_014294	MIS18A	chr21:33640529-33651376	15.1802	21.0102	0.468898	0.208276
XLOC_004242	PTGDR2	chr11:60609428-60623444	0.979505	1.35721	0.470519	0.952905
XLOC_009047	CDC6	chr17:38444145-38459413	8.48175	11.754	0.470714	0.186139
XLOC_016081	LAMP3	chr3:182840002-182880667	0.822466	1.14178	0.47326	0.491932
XLOC_001971	PFDN2	chr1:161070345-161102478	241.882	335.795	0.473279	0.361679
XLOC_021056	PKD1L1	chr7:47814249-47988071	0.103273	0.143432	0.473904	1
XLOC_008071	FUS	chr16:31191430-31206192	44.2095	61.4199	0.474348	0.174152
XLOC_002447	ZNF488	chr10:48355088-48373866	0.270644	0.376479	0.476172	0.69598
XLOC_021734	FAM83A	chr8:124194751-124222318	0.029377	0.0408666	0.476232	1
XLOC_007209	SLC27A2	chr15:50474392-50528589	12.7049	17.6766	0.476461	0.148987
XLOC_014409	CDC45	chr22:19467413-19508135	16.32	22.7127	0.476859	0.180085
XLOC_001444	CLSPN	chr1:36197712-36235551	0.915654	1.27434	0.476879	0.277931
XLOC_002171	SLC30A1	chr1:211748380-211752095	3.63379	5.05827	0.47717	0.327733
XLOC_006768	NFKBIA	chr14:35870715-35873960	32.7675	45.6416	0.478083	0.184331
XLOC_009768	PYY	chr17:42030106-42081837	0.0987789	0.137626	0.478483	1
XLOC_017236	ANKRD32	chr5:93954390-94031573	0.76034	1.05942	0.478555	0.441752
XLOC_010694	IFI30	chr19:18284578-18288927	48.8661	68.1645	0.480185	0.141455
XLOC_006026	SKA3	chr13:21727733-21753220	10.6186	14.8135	0.480325	0.609479
XLOC_007369	LOC100505679	chr15:84841241-84850985	0.322493	0.449933	0.480441	0.933023
XLOC_011638	ZNF573	chr19:38229202-38270230	0.135199	0.188635	0.480511	1
XLOC_007334	CHRNA5	chr15:78857861-78913637	1.72993	2.41371	0.480539	0.29743
XLOC_010220	SEC11C	chr18:56807124-56826063	28.9155	40.3466	0.480603	0.173569
XLOC_016979	PPID	chr4:159630278-159644552	22.9714	32.0628	0.481064	0.135065
XLOC_005582	BEST3	chr12:70047388-70093196	0.293868	0.41037	0.481758	0.664149
XLOC_021382	EZH2	chr7:148504463-148581447	18.2152	25.442	0.482073	0.158976
XLOC_023513	CSTF2	chrX:100075347-100095927	8.3224	11.6269	0.48239	0.19909
XLOC_024017	AMMECR1	chrX:109437413-109699567	1.25447	1.75266	0.482471	0.307167
XLOC_014592	MEI1	chr22:42095517-42195459	0.0152495	0.0213133	0.482998	1
XLOC_013324	MDH1B	chr2:207602488-207630050	0.170713	0.238719	0.483735	1
XLOC_017246	LNPEP	chr5:96271345-96365115	0.624385	0.873357	0.484135	0.452642
XLOC_005870	DGKH	chr13:42614171-42803891	0.247783	0.346621	0.48428	1
XLOC_004892	NCKAP1L	chr12:54891494-54936899	0.0369877	0.0517606	0.484809	1
XLOC_005666	SLC41A2	chr12:105197274-10532247	0.601847	0.842353	0.485029	0.486422
XLOC_010235	HMSD	chr18:61616587-61627645	5.18568	7.25841	0.485121	0.46195
XLOC_017587	FAM134B	chr5:16473146-16617167	0.49315	0.690269	0.485131	0.549946
XLOC_008183	TSNAXIP1	chr16:67841009-67861971	0.0370167	0.0518341	0.485725	1
XLOC_014891	CN5H6.4	chr22:46691039-46692557	0.11581	0.16226	0.486548	1
XLOC_023967	CHM	chrX:85116184-85302566	1.58951	2.22712	0.486596	0.303771
XLOC_000024	ATAD3C	chr1:1385068-1405538	0.135825	0.19041	0.487364	1
XLOC_009799	WNT3	chr17:44841686-44896082	1.21241	1.70023	0.487851	0.658266
XLOC_022135	ABRA	chr8:107771710-107782477	0.0160997	0.0225798	0.488004	1
XLOC_000914	LHX4	chr1:180199432-180244188	0.674104	0.945711	0.488428	0.862523
XLOC_024228	PCDH11Y	chrY:4868266-5610264	0.0281637	0.0395146	0.488548	1
XLOC_007625	KIAA0101	chr15:64657210-64673702	24.2337	34.0302	0.489802	0.146724
XLOC_013412	HTR2B	chr2:231921577-232037540	0.0289761	0.0406982	0.490102	1
XLOC_001490	HIVEP3	chr1:41972035-42501596	0.225197	0.31636	0.49038	1
XLOC_011389	MYO1F	chr19:8585673-8642331	0.0640216	0.0899418	0.490433	1
XLOC_018005	GFPT2	chr5:179727699-179780315	18.3754	25.8173	0.490562	0.170977
XLOC_009391	LOC284009	chr17:2310274-2318730	0.0829895	0.116681	0.491565	1
XLOC_008727	GALNS	chr16:88880141-88923374	8.93646	12.5651	0.491653	0.200886
XLOC_001103	TRIM67	chr1:231298673-231357314	0.0043063	0.00606384	0.493783	1
XLOC_012696	ARMC9	chr2:232063293-232238600	2.28877	3.22353	0.49407	0.355611
XLOC_004665	KCNA6	chr12:4918341-4960278	0.00638737	0.00899642	0.494129	1
XLOC_006235	LINC00565	chr13:114629486-11463190	0.483289	0.680858	0.494468	0.654038
XLOC_009146	HOXB-AS5	chr17:46800541-46802119	1.45294	2.04748	0.494868	0.775769
XLOC_005270	LOC389634	chr12:8509559-8543348	0.99787	1.40765	0.496365	0.845125
XLOC_018262	LHFLP5	chr6:35773070-35791852	0.047859	0.0675193	0.496509	1
XLOC_018558	AKAP12	chr6:151561133-151679694	1.58608	2.23805	0.496779	0.206979
XLOC_015909	PTPLB	chr3:123213362-123303924	0.485602	0.685851	0.49812	0.756513
XLOC_015599	RFTN1	chr3:16357351-16555222	0.0112952	0.0159568	0.498462	1
XLOC_010470	GADD45B	chr19:2476122-2478257	60.4105	85.3584	0.498735	0.122708
XLOC_007645	TIPIN	chr15:66629007-66649054	5.786	8.17739	0.499073	0.269592

XLOC_002715	ENO4	chr10:118609022-1186421	0.122191	0.172715	0.499256	1
XLOC_007235	FAM81A	chr15:59730371-59815751	0.68582	0.969415	0.499285	0.439482
XLOC_002159	C1orf116	chr1:207191865-20720610	0.00566515	0.00801107	0.499881	1
XLOC_009337	FSCN2	chr17:79495416-79504156	0.100988	0.142858	0.500401	1
XLOC_015898	HCLS1	chr3:121350245-12137979	0.941231	1.33194	0.500906	0.525846
XLOC_001689	TAF13	chr1:109606997-10961862	9.01936	12.7647	0.501057	0.342771
XLOC_001142	KIF26B	chr1:245318286-24586642	0.202783	0.287519	0.503722	1
XLOC_002310	SH3BP5L	chr1:249104650-24912015	67.7757	96.1048	0.503841	0.141232
XLOC_018776	SLC44A4	chr6:31830969-31846823	0.0430355	0.0610765	0.505089	1
XLOC_010044	ALYREF	chr17:79845710-79849462	110.03	156.205	0.505536	0.108045
XLOC_000898	PAPPA2	chr1:176432306-17681197	0.00685618	0.00973644	0.505989	1
XLOC_008266	KIAA0513	chr16:85061409-85127828	0.621937	0.883354	0.506223	0.37762
XLOC_013702	LOC100131496	chr20:45838380-45985474	0.015518	0.0220414	0.506273	1
XLOC_024027	IL13RA2	chrX:114238537-11425220	111.821	158.833	0.506327	0.151982
XLOC_015077	CCR12	chr3:46448720-46451014	1.87136	2.65829	0.506412	0.415394
XLOC_016064	PLD1	chr3:171318194-17152828	0.171526	0.243844	0.507532	1
XLOC_016050	GOLIM4	chr3:167727653-16781341	0.62795	0.892971	0.507965	0.490029
XLOC_010731	LOC641367	chr19:21906842-21950430	0.0450924	0.0641312	0.50814	1
XLOC_001052	SPATA17	chr1:217804694-21804048	0.181867	0.25868	0.508286	1
XLOC_012342	IL18R1	chr2:102979096-10301521	0.132361	0.18837	0.509096	1
XLOC_000930	TSEN15	chr1:184020810-18404334	12.0987	17.2275	0.509861	0.161438
XLOC_017371	PCDHB4	chr5:140501580-14050520	0.0363943	0.051832	0.51013	1
XLOC_002667	TMEM180	chr10:104221169-1042368	5.4138	7.71604	0.511217	0.208364
XLOC_006817	BMP4	chr14:54416454-54423554	0.594267	0.847014	0.511274	0.63524
XLOC_009931	SLC16A6	chr17:66255322-66417000	0.382647	0.545651	0.511965	0.674625
XLOC_013982	RIMS4	chr20:43374487-43438979	0.00729915	0.0104113	0.512351	1
XLOC_011636	ZNF781	chr19:38158649-38183216	0.0615317	0.0877842	0.512631	1
XLOC_009501	MYH3	chr17:10531842-10560626	0.154941	0.221235	0.513857	1
XLOC_023379	MAGIX	chrX:49019180-49023836	0.678202	0.96851	0.514052	0.671133
XLOC_014183	MX2	chr21:42733949-42780869	0.0371685	0.0531157	0.515058	1
XLOC_004945	KIF5A	chr12:57943846-57978554	0.00827168	0.0118258	0.51569	1
XLOC_023316	GK	chrX:30671475-30749577	0.890729	1.27412	0.51644	0.334215
XLOC_021391	ACTR3C	chr7:149944300-15003524	0.578065	0.826916	0.516508	0.983286
XLOC_010303	ABHD3	chr18:19230857-19284766	3.68961	5.27915	0.516839	0.225852
XLOC_002537	EIF5AL1	chr10:81272356-81276192	2.97534	4.25899	0.517458	0.169417
XLOC_016892	ELOVL6	chr4:110970228-11111982	6.44908	9.23309	0.517722	0.112094
XLOC_006293	PKC2	chr14:24563482-24573339	59.0792	84.6047	0.518088	0.117139
XLOC_012987	SLC4A5	chr2:74443368-74570534	4.23097	6.06016	0.518368	0.128214
XLOC_012068	RHOB	chr2:20646834-20649201	33.401	47.8566	0.518828	0.102638
XLOC_017796	LOC553103	chr5:131630144-13173130	0.196154	0.281103	0.519115	1
XLOC_008373	PRSS22	chr16:2902727-2908171	8.4605	12.1385	0.52078	0.269188
XLOC_014407	TSSK2	chr22:19117791-19132190	0.646176	0.927263	0.52105	0.959465
XLOC_021240	RPL19P12	chr7:102715327-10278956	0.0652103	0.093593	0.5213	1
XLOC_003329	ADM	chr11:10326641-10328923	61.1377	87.8328	0.522697	0.124319
XLOC_021730	MTBP	chr8:121408082-12153587	2.27443	3.26786	0.522844	0.869408
XLOC_003550	FEN1	chr11:61560108-61564714	19.5864	28.1695	0.524282	0.0865352
XLOC_002134	LINC00628	chr1:204337557-20433884	0.0908469	0.130663	0.524342	1
XLOC_011000	SEC1P	chr19:49141271-49185502	0.0269777	0.0388097	0.524653	1
XLOC_010661	HSH2D	chr19:16244837-16269377	0.334518	0.481263	0.524741	0.659194
XLOC_007798	PRKXP1	chr15:101087956-1010994	0.122759	0.176612	0.524757	1
XLOC_010757	WDR88	chr19:33622997-33666703	0.0340111	0.0489333	0.524812	1
XLOC_012683	LOC100616530	chr8:96257140-96822371	0.173316	0.249577	0.526075	1
XLOC_023464	ITGB1BP2	chrX:70430034-70948962	0.378712	0.545571	0.526667	0.970346
XLOC_013275	COL5A2	chr2:189896640-19004460	0.0293148	0.0422494	0.527302	1
XLOC_007680	STOML1	chr15:74275558-74286963	4.22229	6.08575	0.527407	0.285653
XLOC_014810	FMFN	chr22:37865100-37882478	0.119401	0.172156	0.5279	1
XLOC_000962	C1orf106	chr1:200860626-20088486	0.255264	0.36825	0.528695	0.61004
XLOC_015719	AMIGO3	chr3:49726949-49761384	2.7699	3.99698	0.52908	0.830101
XLOC_022380	CBWD3	chr9:70856838-70914932	0.319796	0.462076	0.530976	0.670632
XLOC_012830	GPR113	chr2:26531040-26618759	0.0145186	0.0209888	0.531721	1
XLOC_018569	ZDHHC14	chr6:157802556-15809497	1.28178	1.85358	0.532171	0.468467
XLOC_007248	SNX22	chr15:64443915-64455354	0.464336	0.671623	0.532481	0.977103
XLOC_001715	KCND3	chr1:112318453-11253177	0.0169791	0.024592	0.534428	1
XLOC_018044	LOC100506207	chr6:8435855-8785678	0.124897	0.180948	0.534839	1
XLOC_022946	MIRLET7DHG	chr9:96938851-96966848	0.516588	0.74879	0.535546	0.631872
XLOC_007246	FBXL22	chr15:63796709-63894620	0.140962	0.204407	0.536134	1
XLOC_005748	OASL	chr12:121458094-1214770	0.0106334	0.0154237	0.536545	1
XLOC_002179	FLVCR1-AS1	chr1:213029945-21303148	2.08183	3.02189	0.537598	0.501373
XLOC_023319	CXorf22	chrX:35937850-36008269	0.0156439	0.0227316	0.539097	1
XLOC_004347	CCDC87	chr11:66357639-66360554	0.0208787	0.0303449	0.53942	1
XLOC_001176	ZNF672	chr1:249132529-24914371	104.796	152.354	0.539841	0.102638
XLOC_004645	LOC100292680	chr12:1609656-1613590	0.0177882	0.0258732	0.54054	1
XLOC_020402	MPP6	chr7:24613084-24727498	3.004	4.37621	0.542794	0.200542
XLOC_013193	CCDC148	chr2:159023161-15931326	0.055347	0.0806727	0.543576	1
XLOC_000485	LOC646626	chr1:85731459-85743771	2.66515	3.88532	0.543815	0.978981
XLOC_021691	POP1	chr8:99129520-99172069	4.63159	6.75262	0.54394	0.107103
XLOC_009376	SLC43A2	chr17:1477695-1532130	3.66	5.33696	0.544175	0.236698
XLOC_008088	ORC6	chr16:46723557-46732306	13.4231	19.5752	0.54431	0.104594
XLOC_015521	MGC2889	chr3:192958916-19298864	0.0399486	0.0583338	0.546188	1

XLOC_023586	LONRF3	chrX:118108712-11815194	2.05946	3.00849	0.546774	0.293045
XLOC_012277	VAMP5	chr2:85811530-85820511	0.0716485	0.104683	0.547015	1
XLOC_009697	KRTAP2-2	chr17:39210750-39211463	0.106534	0.15567	0.54718	1
XLOC_018130	HIST1H2BM	chr6:27782821-27783267	0.139761	0.204237	0.547282	1
XLOC_013199	RBMS1	chr2:161128661-16135031	0.120499	0.17612	0.547542	1
XLOC_001217	LOC100129534	chr1:2252695-2322993	0.46533	0.68053	0.548405	0.726592
XLOC_009214	C17orf82	chr17:59489111-59490641	0.368965	0.539638	0.54851	0.844123
XLOC_007726	BCL2A1	chr15:80253231-80263643	31.1607	45.5799	0.548671	0.0857334
XLOC_000300	BMP8A	chr1:39957317-40025370	0.18542	0.271406	0.549656	1
XLOC_018284	APOBEC2	chr6:41020939-41032630	0.0300953	0.0440747	0.550413	1
XLOC_011681	SERTAD1	chr19:40928408-40931932	76.0812	111.434	0.550573	0.0730091
XLOC_005459	KRT81	chr12:52679696-52685299	0.534086	0.782327	0.5507	0.655097
XLOC_009381	MIR22,MIR22HG	chr17:1614797-1619566	4.19588	6.15447	0.552659	0.271991
XLOC_007514	LOC100505648	chr15:40985952-40987303	0.294739	0.432376	0.552846	0.786996
XLOC_018699	HIST1H2BL	chr6:27775256-27775709	1.32864	1.95006	0.553573	0.786614
XLOC_005867	OR7E37P	chr13:42016699-42017902	0.164229	0.241202	0.554535	1
XLOC_014122	C21orf7	chr21:30452872-30548202	0.13277	0.195006	0.554588	1
XLOC_018737	HCG17	chr6:30201815-30314635	0.40362	0.592927	0.554856	0.979701
XLOC_000317	SLFN1-AS1	chr1:41480261-41707815	0.133035	0.19548	0.555213	1
XLOC_010961	FKRP	chr19:47222767-47261832	2.45897	3.61551	0.556145	0.907874
XLOC_005045	SNORA53	chr12:98987402-98995778	1.5846	2.32998	0.556199	0.972601
XLOC_001713	LOC100129269	chr1:112141628-11215094	0.031256	0.0459602	0.556252	1
XLOC_010236	SERPINB8	chr18:61637262-61656608	5.68937	8.37117	0.557161	0.098844
XLOC_003349	NCR3LG1	chr11:17373308-17398868	0.222271	0.327378	0.55864	1
XLOC_021315	CEP41	chr7:130033611-13008105	1.08187	1.5945	0.559567	0.229241
XLOC_010370	MRO	chr18:48321489-48351754	0.00335603	0.00494956	0.560542	1
XLOC_018532	AIG1	chr6:143382022-14366144	28.7964	42.4729	0.560653	0.0671701
XLOC_017699	GCNT4	chr5:74323288-74326724	0.0292791	0.0431992	0.561133	1
XLOC_017204	ZBED3-AS1	chr5:76372531-76444176	0.164317	0.242453	0.561221	1
XLOC_022153	DSCC1	chr8:120846180-12086817	5.51115	8.13215	0.561284	0.109667
XLOC_005699	HVCN1	chr12:111051831-1111276	0.0487227	0.0719129	0.561657	1
XLOC_004800	ALG10	chr12:34175215-34181236	1.1978	1.7696	0.563033	0.286255
XLOC_018217	C4A,C4B	chr6:31949833-31970458	0.0160591	0.023765	0.56545	1
XLOC_019071	KIAA0408,SOGA3	chr6:127759550-12784050	0.00538885	0.00797552	0.565602	1
XLOC_005249	PIANP	chr12:6802956-6810009	0.0765457	0.113297	0.565717	1
XLOC_007192	SLC28A2	chr15:45544427-45568132	0.0280872	0.0415889	0.566284	1
XLOC_006795	POLE2	chr14:50110269-50155098	4.44614	6.60154	0.57025	0.165549
XLOC_006507	PPP4R4	chr14:94640648-94746072	0.389033	0.577946	0.571043	0.762783
XLOC_007396	MESP2	chr15:90319588-90321982	0.0653991	0.0973148	0.573389	1
XLOC_018800	TAP2	chr6:32789609-32806547	17.7607	26.4301	0.573488	0.0929396
XLOC_000123	SLC25A34	chr1:16062808-16067884	0.150782	0.224466	0.574032	1
XLOC_017853	HBEGF	chr5:139712427-13972618	19.0572	28.4037	0.57574	0.0640789
XLOC_005423	RND1	chr12:49250915-49259653	1.65788	2.47332	0.577104	0.373993
XLOC_007577	SPPL2A	chr15:50999736-51057910	3.2596	4.86353	0.577312	0.173569
XLOC_023320	CHDC2	chrX:36065052-36163187	0.00806628	0.0120356	0.577339	1
XLOC_002351	MCM10	chr10:13203553-13253104	3.6819	5.49524	0.577731	0.0806848
XLOC_008157	LOC100505865	chr16:66442426-66444803	0.176242	0.26319	0.578547	1
XLOC_024015	KCNE1L	chrX:108866928-10886839	0.593085	0.885939	0.578968	0.667938
XLOC_010687	SNORA68	chr19:17970686-17974133	8.49728	12.7117	0.581088	0.977527
XLOC_014770	DUSP18	chr22:31058038-31063872	0.276935	0.414375	0.581388	0.632357
XLOC_014461	GSTT2	chr22:24322313-24326106	0.790048	1.18405	0.583723	0.62349
XLOC_008049	MYLPF	chr16:30386122-30389310	0.143584	0.215274	0.584281	1
XLOC_000141	ACTL8	chr1:18081807-18153558	1.63461	2.45162	0.584793	0.378002
XLOC_009722	KRT15	chr17:39669996-39675270	0.079772	0.119669	0.585093	1
XLOC_010321	LOC100652770	chr18:29078026-29136874	0.114008	0.171039	0.585184	1
XLOC_022404	PSAT1	chr9:80912058-80945009	64.5769	96.9428	0.586115	0.108219
XLOC_015022	SLC22A14	chr3:38347444-38359859	0.029985	0.0450207	0.58635	1
XLOC_011815	RASIP1	chr19:49223841-49243970	0.211815	0.318093	0.586642	1
XLOC_018605	LINC00574	chr6:170188885-17020296	0.0980439	0.147373	0.58797	1
XLOC_002061	ZNF648	chr1:182023704-18203084	0.0282106	0.0424166	0.588391	1
XLOC_011978	NLRP9	chr19:56219797-56249768	0.0641524	0.0965923	0.590404	1
XLOC_014988	RARB	chr3:25469753-25705863	0.0645135	0.097151	0.590627	1
XLOC_000992	ZBED6	chr1:203764750-20382325	0.0881425	0.132933	0.592786	1
XLOC_005336	ARHGDB1	chr12:15094949-15114562	0.0393506	0.0593659	0.59325	1
XLOC_015006	FBXL2	chr3:33318933-33428757	0.0292427	0.044123	0.593457	1
XLOC_016451	ARHGEF38	chr4:106473776-10660207	0.00256282	0.00386727	0.593581	1
XLOC_023857	FOXP3	chrX:49091926-49121288	0.173982	0.262841	0.59525	1
XLOC_007512	MRPL42P5	chr15:40824082-40824749	0.328282	0.496558	0.597024	0.805942
XLOC_015790	ACOX2	chr3:58490862-58522929	0.731087	1.10995	0.602376	0.404397
XLOC_009602	EVI2B	chr17:29421944-29704695	0.0149689	0.0227385	0.603169	1
XLOC_018746	IER3	chr6:30710975-30712327	43.383	65.9582	0.604423	0.0645318
XLOC_021747	POU5F1B	chr8:128427856-12842944	0.401743	0.612146	0.607603	0.642142
XLOC_006314	AP4S1	chr14:31363004-31565656	0.417572	0.636708	0.608607	0.855674
XLOC_018106	HIST1H2BH	chr6:26251878-26252303	12.7973	19.5149	0.608729	0.300944
XLOC_007796	FLJ42289	chr15:100884661-1008909	0.0332807	0.0507725	0.609362	1
XLOC_008460	CRYM	chr16:21269838-21329912	0.629782	0.96154	0.610494	0.670347
XLOC_006830	C14orf105	chr14:57936594-57960576	0.0156329	0.0238807	0.611263	1
XLOC_022112	NIPAL2	chr8:99204386-99306621	0.185058	0.282965	0.612647	1
XLOC_007121	SCG5	chr15:32933869-32989298	0.217258	0.332211	0.612694	1

XLOC_008586	MT1G	chr16:56700652-56701977	0.407913	0.624097	0.613508	0.909694
XLOC_011214	USP29	chr19:57631508-57643293	0.00396914	0.00608596	0.616666	1
XLOC_008145	GPR56	chr16:57653909-57698944	0.0176093	0.0270858	0.621199	1
XLOC_010575	ICAM4	chr19:10397642-10399260	0.16672	0.256445	0.621219	1
XLOC_003211	SYCE1	chr10:135367403-13538344	0.0361764	0.0556586	0.621558	1
XLOC_007992	LOC653786	chr16:22557018-22588186	0.0174748	0.0268965	0.622144	1
XLOC_017215	FAM151B	chr5:79783799-79838382	0.130176	0.200416	0.622532	1
XLOC_004632	OPCML	chr11:132284874-13340240	0.00248974	0.00383318	0.622542	1
XLOC_017979	DOK3	chr5:176928905-176937427	3.18944	4.91643	0.624309	0.211458
XLOC_014001	SPATA25	chr20:44515129-44516238	0.109627	0.169204	0.626158	1
XLOC_004089	SOX6	chr11:15987994-16497935	0.00185474	0.00286569	0.627667	1
XLOC_001067	DISP1	chr1:222988430-223179337	0.168276	0.260217	0.628882	1
XLOC_011523	TMEM221	chr19:17546317-17559376	0.107746	0.166723	0.629822	1
XLOC_008805	SLC16A13	chr17:6939393-6943440	9.95129	15.4096	0.630877	0.104845
XLOC_022457	LOC100507346	chr9:98205263-98279247	0.0332096	0.0514595	0.631839	1
XLOC_014044	MTRNR2L3	chr20:55904830-55998278	0.123866	0.192039	0.632616	1
XLOC_005835	MTUS2	chr13:29598747-30080084	0.0717452	0.111254	0.632904	1
XLOC_022573	C9orf117	chr9:130469270-130477936	0.317003	0.49164	0.633106	0.890466
XLOC_021286	RNF148	chr7:121958477-122526813	0.200278	0.310871	0.634312	1
XLOC_004558	MPZL3	chr11:118100335-11812307	0.145619	0.22618	0.63527	1
XLOC_013240	CHN1	chr2:175664041-175870107	0.0379674	0.059119	0.638862	1
XLOC_021746	PCAT1	chr8:128025398-128033255	0.0311482	0.0485025	0.638907	1
XLOC_000685	BNIP1	chr1:151009028-151020076	0.154587	0.240889	0.639947	1
XLOC_016413	ARHGAP24	chr4:86396283-86923823	0.100977	0.157437	0.640737	1
XLOC_016706	FLJ13197	chr4:38614321-38703129	0.00837904	0.0130653	0.64088	1
XLOC_014707	ZNF280A	chr22:22868060-22874613	0.00770582	0.0120231	0.64179	1
XLOC_009338	TSPAN10	chr17:79609348-79615779	0.920378	1.43619	0.641952	0.553879
XLOC_000200	CNKSR1	chr1:26503980-26516375	0.363095	0.566707	0.642256	0.525846
XLOC_019080	CTAGE9	chr6:131958441-132068550	0.0548533	0.0857	0.643716	1
XLOC_012456	YY1P2	chr2:139654893-139656744	0.0550704	0.0860698	0.64423	1
XLOC_018707	HIST1H2AM	chr6:27860476-27860963	3.71162	5.80997	0.644703	0.530867
XLOC_012733	ESPNL	chr2:239008950-239041928	0.0640271	0.100183	0.645885	1
XLOC_014357	LOC284837	chr21:45225638-45232448	0.0324038	0.0507209	0.646416	1
XLOC_021637	GDAP1	chr8:75262617-75279335	1.45369	2.27604	0.646804	0.108045
XLOC_018048	GCNT2	chr6:10521567-10629601	0.00350438	0.00548865	0.647294	1
XLOC_016840	SPARCL1	chr4:88394487-88450655	0.00456941	0.00716128	0.64821	1
XLOC_015171	PSMD6-AS2	chr3:63989697-64009686	0.15768	0.247198	0.648672	1
XLOC_010400	DSEL	chr18:65173818-65566856	0.00164524	0.00258176	0.650054	1
XLOC_003552	BEST1	chr11:61717355-61735132	0.144022	0.226143	0.650953	1
XLOC_009503	TMEM220	chr17:10616638-10718481	0.0601974	0.0945447	0.651295	1
XLOC_017169	GTF2H2C,GTF2H2D	chr5:68856050-68888729	1.05358	1.65587	0.652293	0.252465
XLOC_003310	RBMXL2	chr11:7110164-7112379	0.0458349	0.0721	0.653551	1
XLOC_003558	ASRGL1	chr11:62104773-62160887	1.00437	1.58088	0.654443	0.276401
XLOC_017578	FAM173B	chr5:10225619-10250021	1.28565	2.02411	0.654792	0.158777
XLOC_006782	LOC100288846	chr14:39734475-39820397	0.341392	0.537599	0.655102	0.959465
XLOC_003986	OR7E12P	chr11:3402190-3430378	0.0178679	0.0281913	0.657876	1
XLOC_015049	CCBP2	chr3:42850963-42908775	0.0154015	0.0243007	0.657929	1
XLOC_009145	HOXB-AS3	chr17:46667822-46683774	0.842318	1.3291	0.658012	0.922006
XLOC_013978	FITM2	chr20:42935196-42939889	0.998064	1.57551	0.658614	0.521281
XLOC_017871	FGF1	chr5:141971742-142077638	0.0238703	0.0376972	0.659239	1
XLOC_013999	TNNC2	chr20:44451854-44455953	0.191725	0.302963	0.660097	1
XLOC_014464	SUSD2	chr22:24577443-24585074	0.10863	0.17166	0.660124	1
XLOC_011850	SIGLEC11	chr19:50452249-50464429	0.0196379	0.0310933	0.662963	1
XLOC_020549	LAT2	chr7:73624086-73644164	0.587651	0.931182	0.664104	0.377924
XLOC_022368	AQP7P3	chr9:42844369-42893137	0.344973	0.546649	0.664131	0.800125
XLOC_009910	SCN4A	chr17:62015913-62050278	0.00985328	0.0156167	0.664414	1
XLOC_011037	ADM5	chr19:50191941-50194247	2.83016	4.4876	0.665059	0.187299
XLOC_003121	CALHM2	chr10:105206542-10521216	0.280707	0.445915	0.6677	0.579583
XLOC_006139	NEK5	chr13:52638899-52703214	0.158524	0.251903	0.668173	1
XLOC_006378	DACT1	chr14:59100785-59115038	0.00612568	0.00973761	0.668697	1
XLOC_005999	F10	chr13:113777112-11380384	0.19382	0.308574	0.670897	1
XLOC_012935	TMEM17	chr2:62727355-62733604	0.493896	0.786761	0.671718	0.430049
XLOC_006667	CRIP1	chr14:105953256-10595512	0.192407	0.306556	0.671989	1
XLOC_004124	BDNF	chr11:27528398-27743605	0.0354935	0.0565565	0.672137	1
XLOC_002558	LDB3	chr10:88428205-88495824	0.0195366	0.0311353	0.672374	1
XLOC_014453	FBXW4P1	chr22:23522551-23660224	0.265335	0.423701	0.675229	0.952905
XLOC_012243	ALMS1P	chr2:73872045-73912694	0.0101391	0.0161918	0.675338	1
XLOC_005322	GPR19	chr12:12813994-12849121	0.301768	0.482382	0.676734	0.549262
XLOC_015889	POPDC2	chr3:119360907-119379404	0.182292	0.291438	0.67694	1
XLOC_008392	SRL	chr16:4239374-4292081	0.00454968	0.00727419	0.677023	1
XLOC_008690	CDYL2	chr16:80637675-80838175	0.133384	0.213369	0.677761	1
XLOC_003988	CHRNA10	chr11:3686816-3692614	1.0046	1.61088	0.681234	0.372752
XLOC_018836	SLC26A8	chr6:35911290-35992413	0.00543061	0.00870889	0.681375	1
XLOC_017890	PDE6A	chr5:149237518-149324356	0.0103673	0.0166352	0.682195	1
XLOC_021558	HTRA4	chr8:38831667-38846181	0.0181112	0.0291224	0.685249	1
XLOC_002200	TLR5	chr1:223282747-223316624	0.0151715	0.0243997	0.685498	1
XLOC_001517	CCDC17	chr1:46085715-46089731	0.225926	0.363449	0.6859	0.622505
XLOC_014926	LMCD1	chr3:8543510-8609806	0.0710841	0.114664	0.689814	1
XLOC_005485	ITGB7	chr12:53585106-53601000	0.0312285	0.0503778	0.689925	1

XLOC_005680	SELPLG	chr12:109015679-1090276	0.0982191	0.158479	0.690219	1
XLOC_008908	EPN2-IT1	chr17:19140689-19240028	0.0243435	0.0393221	0.691805	1
XLOC_004855	GRASP	chr12:52400728-52409673	0.375106	0.605935	0.691865	0.593301
XLOC_000785	LRRC71	chr1:156890423-15690288	0.370205	0.598052	0.691948	0.526447
XLOC_005488	SP7	chr12:53720359-53730004	0.00704421	0.0113815	0.692184	1
XLOC_020483	CDC14C	chr7:48964156-48967049	0.00537949	0.0087053	0.694425	1
XLOC_011401	ZNF426	chr19:9638680-9649303	0.0185707	0.0300649	0.695054	1
XLOC_000880	TOP1P1	chr1:171283485-17131122	0.066858	0.108264	0.695379	1
XLOC_003907	DDX25	chr11:125774260-1257930	0.00932071	0.0150959	0.695645	1
XLOC_015395	LOC646903	chr3:149689065-14969102	0.0857908	0.138985	0.696033	1
XLOC_003763	SCARNA9	chr11:93394815-93463522	4.28225	6.94133	0.696843	0.774943
XLOC_016988	TRIM61	chr4:165875597-16589881	0.0113185	0.0183646	0.698238	1
XLOC_006468	SAMD15	chr14:77843761-77857587	0.0391353	0.0635582	0.699607	1
XLOC_018578	C6orf99	chr6:159309618-15933138	0.294159	0.478055	0.700581	0.790283
XLOC_021316	MESTIT1	chr7:130126015-13037140	0.00469522	0.00763557	0.701543	1
XLOC_009064	TTC25	chr17:40086887-40117668	0.0437768	0.0712457	0.702636	1
XLOC_005787	RIMBP2	chr12:130880680-1310024	0.00303436	0.00494378	0.704224	1
XLOC_005067	EID3	chr12:104609556-1047440	0.16708	0.272295	0.704631	1
XLOC_016039	SCARNA7	chr3:160212782-16028337	13.8747	22.6122	0.704645	0.916838
XLOC_002194	AURKAPS1	chr1:220321609-22044584	0.551692	0.899525	0.7053	0.891994
XLOC_018768	LY6G6C	chr6:31686424-31689511	0.0313311	0.0511132	0.706101	1
XLOC_000224	SCARNA1	chr1:28157251-28178183	0.84808	1.38475	0.707349	0.965148
XLOC_018057	EDN1	chr6:12290528-12297427	0.0180775	0.0295219	0.707591	1
XLOC_021301	LRRC4	chr7:127292201-12773265	0.0046673	0.00763807	0.71062	1
XLOC_024166	MAGEA12	chrX:151895977-15190318	0.0115031	0.0188461	0.712242	1
XLOC_001381	FAM46B	chr1:27331510-27339333	0.776784	1.27296	0.712599	0.305621
XLOC_022699	FLJ40292	chr9:140513443-14073057	0.0144484	0.0236942	0.713629	1
XLOC_022020	LOC100505676	chr8:67331821-67341212	0.0130573	0.0214189	0.714027	1
XLOC_000330	WDR65	chr1:43629844-43720029	0.0109841	0.0180503	0.716603	1
XLOC_018700	HIST1H2AJ	chr6:27782079-27782518	1.16306	1.91165	0.716889	0.716391
XLOC_012171	LOC100134259	chr2:47055002-47086145	0.0159572	0.0262399	0.717553	1
XLOC_001686	AKNAD1	chr1:109358519-10940114	0.0145428	0.0239153	0.717626	1
XLOC_022302	CDKN2B-AS1	chr9:21994789-22121093	0.15175	0.249773	0.718925	1
XLOC_010345	PSTPIP2	chr18:43563501-43652250	0.0150661	0.0248141	0.719861	1
XLOC_007674	HIGD2B	chr15:72968122-72978490	0.0217827	0.0359344	0.72218	1
XLOC_011398	ZNF699	chr19:9405985-9415795	0.0345617	0.0570255	0.722432	1
XLOC_011833	HRC	chr19:49654455-49658681	0.0294299	0.0486355	0.724729	1
XLOC_015803	ADAMTS9	chr3:64501330-64997143	0.120561	0.19941	0.725975	1
XLOC_004013	OR51B4	chr11:5322243-5323176	0.0415439	0.06874	0.726513	1
XLOC_010185	SETBP1	chr18:42260137-42648475	0.00169839	0.00281353	0.728216	1
XLOC_004292	HRASLS2	chr11:63014620-63330855	0.031324	0.0519169	0.728936	1
XLOC_001975	APOA2	chr1:161192082-16119341	0.656876	1.09002	0.730664	0.714291
XLOC_018587	SLC22A1	chr6:160542862-16057975	0.0505578	0.0840148	0.732711	1
XLOC_012637	CXCR2	chr2:218990012-21900197	0.00665105	0.0110596	0.733643	1
XLOC_008684	CHST5	chr16:75562427-75569068	0.308912	0.51378	0.733954	0.431637
XLOC_008738	C16orf3	chr16:90089007-90114191	0.0243433	0.0405079	0.734679	1
XLOC_003987	ART5	chr11:3659735-3663546	0.545083	0.907217	0.734971	0.474762
XLOC_005401	SLC38A4	chr12:47158543-47219780	0.0532418	0.088633	0.735285	1
XLOC_022722	GLDC	chr9:6532463-6645692	0.0177854	0.0296569	0.737675	1
XLOC_020431	ADCYAP1R1	chr7:31092075-31151093	0.0176507	0.0294376	0.73793	1
XLOC_005526	MIP	chr12:56843285-56848435	0.0297587	0.0496457	0.73836	1
XLOC_013909	MLLT10P1	chr20:29637583-29638138	0.0794352	0.132874	0.742207	1
XLOC_017272	AQPEP	chr5:115298150-11536329	0.0124574	0.0208546	0.743362	1
XLOC_005500	GPR84	chr12:54756228-54758270	0.0145348	0.0243532	0.744599	1
XLOC_000218	LOC644961	chr1:27648635-27662891	0.108965	0.182614	0.744935	1
XLOC_017335	TGFB1	chr5:135364583-13539950	0.00686912	0.0115327	0.747536	1
XLOC_005259	CD163L1	chr12:7507556-7596749	0.157908	0.265237	0.748201	1
XLOC_008816	C1orf74	chr17:7328934-7330886	0.54022	0.907713	0.748689	0.471178
XLOC_013292	C2orf66	chr2:197669138-19767500	0.1223	0.20551	0.748779	1
XLOC_003061	SORBS1	chr10:97071529-97321171	0.148529	0.249617	0.748972	1
XLOC_001696	GNAT2	chr1:110145888-11015570	0.060506	0.101772	0.750195	1
XLOC_010969	C5AR2	chr19:47835403-47845272	0.0234968	0.0395677	0.751859	1
XLOC_011995	ZNF671	chr19:58231118-58238995	0.00667214	0.011255	0.754347	1
XLOC_022982	ALDOB	chr9:104182841-10419806	0.0465127	0.0786431	0.757696	1
XLOC_007602	LOC145783	chr15:57178367-57210697	0.160637	0.271946	0.759518	1
XLOC_013851	LRRN4	chr20:6021191-6034726	1.40659	2.385	0.761786	0.142951
XLOC_004315	BATF2	chr11:64755416-64764517	0.212003	0.359694	0.762683	0.532218
XLOC_007646	SCARNA14	chr15:66629007-66649054	23.387	39.7266	0.764398	0.964222
XLOC_015253	TAGLN3	chr3:111717585-11173273	0.0201157	0.0341923	0.765348	1
XLOC_007827	NHLRC4	chr16:617031-619495	0.0124731	0.0212024	0.765409	1
XLOC_000434	ROR1	chr1:64239689-64647179	0.0433892	0.0738059	0.7664	1
XLOC_005216	NINJ2	chr12:673461-772755	0.765963	1.30297	0.766458	0.428181
XLOC_012995	DXQ1	chr2:74745257-74753408	0.038453	0.0654287	0.766827	1
XLOC_012139	GPATCH11	chr2:37311593-37323738	0.761198	1.29544	0.7671	0.258786
XLOC_015752	TLR9	chr3:52255095-52260179	0.00685714	0.0116719	0.767365	1
XLOC_010197	SCARNA17	chr18:47340392-47340813	4.93016	8.39468	0.76784	0.299436
XLOC_015349	TF	chr3:133464976-13349785	0.00633379	0.0107906	0.768637	1
XLOC_022932	MIR3651,SNORA84	chr9:94972489-95056038	22.3561	38.0936	0.768882	0.959465
XLOC_022864	FOXDL46	chr9:69199479-69202204	0.0446621	0.0761311	0.769433	1

XLOC_018303	GNMT	chr6:42928499-42946981	0.242408	0.41335	0.769926	0.929478
XLOC_004943	MARS	chr12:57881735-57914300	30.1545	51.5511	0.773632	0.241341
XLOC_009677	KRT222	chr17:38811871-38821416	0.0631512	0.108084	0.775271	1
XLOC_009752	RAMP2-AS1	chr17:40905946-40915060	0.024379	0.0417602	0.776491	1
XLOC_001078	MIXL1	chr1:226411382-22641351	0.065455	0.112166	0.777061	1
XLOC_004470	SNORA40	chr11:93468275-93468402	17.2487	29.5723	0.777756	0.776433
XLOC_001138	C1orf101	chr1:244624672-24480366	0.00441471	0.00756959	0.777896	1
XLOC_014535	APOL1	chr22:36649116-36663577	0.0357003	0.0612186	0.778033	1
XLOC_012052	C2orf50	chr2:11273178-11286916	0.0463243	0.0794549	0.778366	1
XLOC_018685	HIST1H1D	chr6:26234439-26235216	1.19203	2.04507	0.77873	0.400128
XLOC_012299	GGT8P	chr2:91963367-91970153	0.00796105	0.0136598	0.778909	1
XLOC_009656	SNORA21	chr17:37006320-37010053	22.8556	39.2712	0.780928	0.950929
XLOC_015113	GNAT1	chr3:50229042-50235129	0.00533107	0.00916046	0.780994	1
XLOC_016425	HERC5	chr4:89378267-89427319	0.0416723	0.071666	0.782199	1
XLOC_020367	RSPH10B2	chr7:6793739-6838396	0.0152594	0.0262513	0.782689	1
XLOC_023118	QRFP	chr9:133768814-13376922	1.15641	1.99101	0.783845	0.671358
XLOC_017896	CD74	chr5:149781199-14979249	0.0280733	0.048528	0.789617	1
XLOC_003935	IFITM5	chr11:298200-299526	0.0440015	0.0760884	0.790125	1
XLOC_001396	SNORA61	chr1:28879528-28908366	32.2225	55.7567	0.791077	0.974044
XLOC_018689	HIST1H4H	chr6:26285353-26285727	3.05803	5.30857	0.795721	0.390876
XLOC_017112	PTGER4	chr5:40680031-40693837	0.168749	0.292994	0.795989	1
XLOC_015503	SNORA4	chr3:186501360-18652448	4.29064	7.45104	0.796249	0.960403
XLOC_006810	NID2	chr14:52471519-52535946	0.0538626	0.0936894	0.798602	1
XLOC_020357	OCM	chr7:5920428-5925994	0.0539052	0.0938077	0.799282	1
XLOC_010681	FAM129C	chr19:17634109-17664648	0.0959388	0.167001	0.79967	1
XLOC_004463	SNORA32	chr11:93464144-93464265	8.50852	14.8159	0.800169	0.886662
XLOC_006452	ZC2HC1C	chr14:75536298-75544799	0.13697	0.238723	0.801478	1
XLOC_016378	EPGN	chr4:75174186-75182520	0.0112397	0.01959	0.801507	1
XLOC_016744	RPL21P44	chr4:54851665-54853449	0.0319271	0.0556753	0.802257	1
XLOC_014768	GAL3ST1	chr22:30950623-30960876	0.0216341	0.0377557	0.803388	1
XLOC_024117	MCF2	chrX:138663929-13879038	0.0035226	0.0061481	0.803497	1
XLOC_018119	HIST1H2AG	chr6:27100816-27101314	1.32265	2.31666	0.80862	0.559916
XLOC_011263	ODF3L2	chr19:463345-474983	0.481789	0.843926	0.808714	0.446323
XLOC_005851	NBEA	chr13:35516423-36705514	0.00118027	0.00207432	0.81352	1
XLOC_018562	MYCT1	chr6:153019029-15304571	0.0192643	0.0338577	0.813552	1
XLOC_021486	NAT2	chr8:18248754-18258723	0.0111798	0.0196492	0.813573	1
XLOC_006194	UBAC2-AS1	chr13:99848627-10005855	0.250834	0.441153	0.814546	0.958814
XLOC_015605	PP2D1	chr3:19988571-20053765	0.0278965	0.0490825	0.815124	1
XLOC_001398	SNORA16A	chr1:28879528-28908366	4.79013	8.43867	0.816951	0.966946
XLOC_017712	DMGDH	chr5:78293428-78365449	0.00425342	0.00749899	0.818075	1
XLOC_001700	LOC440600	chr1:110828998-11088179	0.0885778	0.15621	0.818466	1
XLOC_007123	RYR3	chr15:33603176-34158303	0.00293891	0.00518349	0.818642	1
XLOC_010002	LOC100996291	chr17:76257429-76274573	0.0073679	0.012997	0.818858	1
XLOC_020941	ISPD	chr7:16127151-16460947	0.0576538	0.101736	0.819337	1
XLOC_016507	SLC7A11-AS1	chr4:138948576-13916350	0.00910967	0.0160888	0.820585	1
XLOC_013586	MYLK2	chr20:30407177-30422500	0.268573	0.474543	0.821224	0.349916
XLOC_009223	KCNH6	chr17:61600694-61626338	0.0558776	0.0988114	0.822408	1
XLOC_013322	GPR1	chr2:207040041-20708277	0.00724639	0.012819	0.822945	1
XLOC_008404	PPL	chr16:4932507-4987136	0.00341138	0.00603731	0.823551	1
XLOC_008415	TVP23A	chr16:10837697-10912621	0.0912178	0.161538	0.824485	1
XLOC_009124	KANSL1-AS1	chr17:44107281-44302740	0.462206	0.819718	0.826592	0.970195
XLOC_022737	SCARNA8	chr9:19053134-19102940	3.89277	6.90437	0.826713	0.961306
XLOC_008897	C17orf50	chr17:34087915-34092098	0.0442256	0.0785492	0.828713	1
XLOC_005355	CASC1	chr12:25205180-25348094	0.00504131	0.00895633	0.82911	1
XLOC_011518	USHBP1	chr19:17360848-17375544	0.156519	0.278077	0.829147	1
XLOC_013400	TM4SF20	chr2:22822873-22824402	0.00604504	0.010744	0.829705	1
XLOC_021355	FLJ40852	chr7:141404137-14143803	0.0318556	0.0566953	0.831681	1
XLOC_002626	HOGA1	chr10:99344101-99372555	0.0259986	0.0462731	0.831741	1
XLOC_014927	LINC00312	chr3:8613467-8616354	0.00942612	0.0168134	0.83488	1
XLOC_023085	ENG	chr9:130577290-13061704	1.57694	2.81281	0.834886	0.0755921
XLOC_009738	DHX58	chr17:40253421-40264751	0.0249138	0.0444509	0.835264	1
XLOC_004566	RPL23AP64	chr11:118868851-1188890	0.200185	0.357509	0.836649	0.947008
XLOC_003663	CABP4	chr11:67222817-67229245	0.00800527	0.0143033	0.837322	1
XLOC_000559	SCARNA2	chr1:109642814-10964323	2.65608	4.75027	0.83871	0.407645
XLOC_003635	CST6	chr11:65779461-65780976	0.0583898	0.104436	0.838836	1
XLOC_002089	F13B	chr1:197008320-19703639	0.00523301	0.00937517	0.841205	1
XLOC_016483	SYNPO2	chr4:119809995-11998240	0.00329479	0.00590295	0.841248	1
XLOC_024173	TREX2	chrX:152710177-15271194	0.312472	0.55987	0.841365	0.651901
XLOC_005496	LOC100240735	chr12:54452037-54516018	0.0216757	0.0388845	0.843116	1
XLOC_018491	C6orf58	chr6:127898318-12791296	0.0429595	0.0770946	0.843653	1
XLOC_004302	NRXN2	chr11:64373645-64490660	0.0272571	0.0489192	0.843766	1
XLOC_006287	DHRS2	chr14:24105572-24114848	0.101981	0.183292	0.845841	1
XLOC_004097	TPH1	chr11:18042083-18062335	0.00762424	0.0137348	0.849172	1
XLOC_011324	TMIGD2	chr19:4292224-4302428	0.0195122	0.0351606	0.849584	1
XLOC_020964	DFNA5	chr7:24737973-24797639	0.00726231	0.0130963	0.850664	1
XLOC_012630	TMEM169	chr2:216946588-21696750	0.00846518	0.0152665	0.850755	1
XLOC_001872	SHE	chr1:154451953-15447452	0.00243627	0.00439503	0.851201	1
XLOC_010992	SYNGR4	chr19:48867650-48879634	0.117075	0.211261	0.851599	1
XLOC_017430	GPX3	chr5:150399998-15040855	0.0302164	0.0546053	0.853711	1

XLOC_001853	S100A5	chr1:153509622-15351424	0.0247855	0.0448174	0.854562	1
XLOC_012157	PLEKHH2	chr2:43864438-43995126	0.00183901	0.00332603	0.854874	1
XLOC_003344	CALCB	chr11:15095145-15100177	0.0550715	0.0996312	0.855292	1
XLOC_015127	GRM2	chr3:51741080-51752625	0.0414542	0.075045	0.856238	1
XLOC_021170	PON1	chr7:94927668-94953884	0.015398	0.0278956	0.857289	1
XLOC_003012	KCNMA1	chr10:78629358-79397577	0.00258402	0.00468175	0.857434	1
XLOC_011352	PSPN	chr19:6375304-6375860	0.334713	0.606991	0.858751	0.825249
XLOC_008125	MT1B	chr16:56685810-56687116	0.193152	0.35056	0.859925	0.873144
XLOC_016710	TMEM156	chr4:38968440-39034041	0.0145212	0.0263846	0.861542	1
XLOC_006700	SNORD8	chr14:21853352-21905457	8.96835	16.2993	0.861891	0.963669
XLOC_023002	C9orf152	chr9:112961845-11297041	0.0130212	0.0236951	0.863728	1
XLOC_021731	HAS2-AS1	chr8:122625270-12265756	0.023984	0.0436717	0.864626	1
XLOC_000028	MMP23B	chr1:1567559-1570030	0.0357559	0.0651424	0.865416	1
XLOC_014108	CXADR	chr21:18885223-18965897	0.0194721	0.0355346	0.867872	1
XLOC_005068	CHST11	chr12:104850691-1051557	0.00536065	0.00978691	0.868446	1
XLOC_013555	INSM1	chr20:20348764-20351592	0.173833	0.317397	0.868586	1
XLOC_009632	CCL3	chr17:34415602-34417506	0.0310916	0.0567757	0.868748	1
XLOC_018842	CPNE5	chr6:36708554-36807220	0.0646883	0.118359	0.871597	1
XLOC_005376	H3F3C	chr12:31944118-31945175	0.0177689	0.0325572	0.873362	1
XLOC_002984	SPOCK2	chr10:73818791-73848790	0.0228097	0.0418238	0.874678	1
XLOC_009847	CACNA1G-AS1	chr17:48633567-48704832	0.0133582	0.0245062	0.875422	1
XLOC_015316	KBTBD12	chr3:127641901-12770651	0.00559385	0.0102753	0.877269	1
XLOC_021890	MTUS1	chr8:17501302-17658426	0.211733	0.389205	0.87828	0.194377
XLOC_014029	NFATC2	chr20:50003493-50179370	0.0024238	0.0044602	0.87984	1
XLOC_004805	PDZRN4	chr12:41582249-41968392	0.00431002	0.00793204	0.879999	1
XLOC_010274	LOC727896	chr18:2916991-3011945	0.00873178	0.0160991	0.882632	1
XLOC_011330	LRG1	chr19:4537226-4540036	0.0404567	0.0746771	0.884287	1
XLOC_004823	CCDC65	chr12:49297892-49315359	0.0079014	0.0145917	0.884965	1
XLOC_018567	CLDN20	chr6:155411422-155635617	0.0126254	0.0233248	0.885542	1
XLOC_005246	ACRBP	chr12:6747241-6756580	0.180243	0.333035	0.885728	1
XLOC_007479	OTUD7A	chr15:31775328-31947542	0.0717407	0.132559	0.885766	1
XLOC_013287	DNAH7	chr2:196602426-19693353	0.00101063	0.00186996	0.887757	1
XLOC_000056	TAS1R1	chr1:6615337-6639817	0.0104022	0.0192512	0.888052	1
XLOC_016017	ARHGEF26-AS1	chr3:153742189-15397561	0.0165736	0.0307298	0.890749	1
XLOC_022685	GRIN1	chr9:140033608-14006449	0.0510599	0.0947797	0.892388	1
XLOC_022383	PIP5K1B	chr9:71320615-71624091	0.0801324	0.148872	0.893614	1
XLOC_013456	PP14571	chr2:241375114-24140749	0.0290482	0.0540357	0.895462	1
XLOC_015728	LUST	chr3:50126340-50156397	0.10858	0.202137	0.896576	1
XLOC_013368	CCDC108	chr2:219866936-21990624	0.00309898	0.00576944	0.896639	1
XLOC_015217	OR5K2	chr3:98216524-98217475	0.0175114	0.0326659	0.89949	1
XLOC_020871	FABP5P3	chr7:152133979-15214010	0.0200962	0.037511	0.900392	1
XLOC_002005	LIN28A	chr1:26737268-26756219	0.00380853	0.00712862	0.904387	1
XLOC_009308	SCARNA16	chr17:75084724-75213181	8.77689	16.4784	0.908795	0.942519
XLOC_016159	ZNF876P	chr4:206388-249773	0.0717731	0.135401	0.915726	1
XLOC_016791	CXCL3	chr4:74902311-74904490	0.351146	0.662447	0.915733	0.40651
XLOC_003746	LOC100506368	chr11:86666662-86711989	0.12827	0.242359	0.917965	1
XLOC_003376	BDNF-AS	chr11:27528398-27743605	0.0997262	0.188449	0.918132	1
XLOC_015662	SLC6A20	chr3:45796940-45838035	0.00610697	0.0115428	0.918468	1
XLOC_020677	SPDYE2L	chr7:102178365-10221306	0.017835	0.0337731	0.921161	1
XLOC_005114	OAS2	chr12:113416273-1134495	0.0174319	0.0330279	0.921952	1
XLOC_019166	SNORA20	chr6:160181290-16021073	2.53509	4.80368	0.922101	0.954657
XLOC_013730	FAM209A	chr20:55043646-55101208	0.202134	0.383396	0.923524	0.961224
XLOC_001775	FMO5	chr1:146655883-14669723	0.0893562	0.169627	0.924727	1
XLOC_021923	ADRA1A	chr8:26605666-26722922	0.011289	0.0214541	0.926335	1
XLOC_001392	PTAFR	chr1:28473676-28520447	0.034965	0.0665059	0.92757	1
XLOC_014167	DSCR9	chr21:38580803-38594037	0.042213	0.0803567	0.928729	1
XLOC_016533	MAB21L2	chr4:151185810-15193664	0.0144768	0.0275911	0.930453	1
XLOC_018456	TPI1P3	chr6:116262692-11638192	0.0285558	0.0544713	0.931712	1
XLOC_020553	NCF1	chr7:74188308-74203659	0.0201289	0.0383998	0.931827	1
XLOC_009674	TNS4	chr17:38632079-38657854	0.00441018	0.00843327	0.935253	1
XLOC_004520	POU2AF1	chr11:111222980-1112501	0.00654702	0.0125283	0.936279	1
XLOC_014068	LINC00659	chr20:61405472-61408208	0.499183	0.959641	0.942928	0.535638
XLOC_018404	C6orf165	chr6:88117689-88174191	0.0195492	0.0376043	0.943786	1
XLOC_017385	PCDHB19P	chr5:140619688-14062431	0.00784868	0.0151019	0.944205	1
XLOC_003651	C11orf86	chr11:66742753-66744479	0.0201184	0.0387676	0.946339	1
XLOC_021677	ESRP1	chr8:95653363-95719694	0.016085	0.0310813	0.950333	1
XLOC_007857	EME2	chr16:1823228-1826239	0.251614	0.48626	0.950519	0.66311
XLOC_003117	CYP17A1	chr10:104590287-1045972	0.0181446	0.035107	0.952219	1
XLOC_003249	LSP1	chr11:1874199-1913493	0.014381	0.0278366	0.952818	1
XLOC_014349	RSPH1	chr21:43892596-43916401	0.247486	0.479528	0.954267	0.365811
XLOC_001214	KIAA1751	chr1:1884751-1935276	0.00417718	0.008094	0.954323	1
XLOC_018706	HIST1H3J	chr6:27858092-27858570	0.0813568	0.157685	0.954712	1
XLOC_023799	ARX	chrX:25021812-25034065	0.0119929	0.0232875	0.957377	1
XLOC_014397	SLC25A18	chr22:18043182-18073647	0.0670409	0.130398	0.959807	1
XLOC_014932	CPNE9	chr3:9745509-9771592	0.0496601	0.0967728	0.962516	1
XLOC_005499	NFE2	chr12:54685890-54694821	0.0241382	0.0470505	0.962894	1
XLOC_016189	DOK7	chr4:3465032-3496209	0.0258744	0.0506037	0.967718	1
XLOC_0012746	GPR35	chr2:241544824-24157067	0.384518	0.753187	0.969959	0.277658
XLOC_000653	GPR89B,GPR89C	chr1:147400505-14746575	0.0573441	0.112408	0.971029	1

XLOC_016037	TRIM59	chr3:160153290-160167624	0.07715	0.151356	0.972206	1
XLOC_011266	PRSS57	chr19:685545-695461	0.0306136	0.0601059	0.973334	1
XLOC_015773	ESRG	chr3:54156692-55108584	0.0468349	0.0919617	0.973451	1
XLOC_014048	PPP4R1L	chr20:56807832-56884495	0.0933782	0.18382	0.977139	1
XLOC_001483	COL9A2	chr1:40766162-40782939	0.00802693	0.0158594	0.982417	1
XLOC_010479	S1PR4	chr19:3178735-3180330	0.0229469	0.0454249	0.985187	1
XLOC_022558	WDR38	chr9:127615695-127624240	0.0181292	0.0358991	0.985637	1
XLOC_006638	AMN	chr14:103388992-10339717	0.0637437	0.126451	0.988219	1
XLOC_011679	HIPK4	chr19:40885177-40896094	0.0955889	0.189651	0.98843	1
XLOC_010950	LOC388553	chr19:46242887-46262748	0.0159718	0.0317355	0.990567	1
XLOC_011059	ACPT	chr19:51293671-51298481	0.0230141	0.0457578	0.991503	1
XLOC_013284	STAT4	chr2:191894301-192016322	0.0154045	0.0306798	0.993943	1
XLOC_008005	SLC5A11	chr16:24857183-24922949	0.0170276	0.0339348	0.994893	1
XLOC_016296	DCAF4L1	chr4:41983712-41988484	0.07738	0.154963	1.00189	1
XLOC_018866	TREM1	chr6:41242998-41254457	0.0185416	0.037316	1.00902	1
XLOC_013070	AFF3	chr2:100163715-100759037	0.00440625	0.00891242	1.01627	1
XLOC_009698	KRTAP2-3	chr17:39215492-39216344	1.32206	2.67789	1.01831	0.186614
XLOC_012179	GTF2A1L,STON1,STON1-G	chr2:48757063-49003656	0.0052151	0.0105737	1.01971	1
XLOC_006105	SNORA31	chr13:45911303-45915297	5.00625	10.153	1.0201	0.931471
XLOC_010196	LIPG	chr18:47088426-47119278	0.0577186	0.117249	1.02247	1
XLOC_004325	KCNK7	chr11:65360325-65363467	0.360874	0.733235	1.02278	0.241608
XLOC_011949	LAIR1	chr19:54865234-54876721	0.0315854	0.0641959	1.02322	1
XLOC_010717	CILP2	chr19:19649073-19657468	0.0600828	0.122137	1.02348	1
XLOC_002599	CYP26A1	chr10:94833231-94837641	0.0395372	0.0804688	1.02522	1
XLOC_009703	KRTAP4-6	chr17:39295684-39296739	0.113006	0.229998	1.02522	1
XLOC_021142	SEMA3E	chr7:82993221-83278479	0.00462754	0.00944023	1.02858	1
XLOC_004611	FEZ1	chr11:125315640-12536620	0.0301276	0.0615695	1.03113	1
XLOC_003688	KRTAP5-9	chr11:71259465-71260653	0.07972	0.16427	1.04305	1
XLOC_007776	ANPEP	chr15:90328125-90358072	0.0170838	0.035314	1.04761	1
XLOC_008786	ZFP3	chr17:4981753-4999669	0.01197	0.0248548	1.0541	1
XLOC_014498	CABP7	chr22:30116343-30162969	0.0289705	0.0601932	1.05501	1
XLOC_018469	SLC35F1	chr6:118228688-118638830	0.00668799	0.0139235	1.05788	1
XLOC_015976	PRR23C	chr3:138760943-138763734	0.0159005	0.0331381	1.05942	1
XLOC_000811	CASQ1	chr1:160160284-160171670	0.0173717	0.0362245	1.06203	1
XLOC_017356	SLC4A9	chr5:139739786-139754722	0.0448415	0.0935373	1.06071	1
XLOC_018318	RSPH9	chr6:43612766-43638748	0.0772689	0.161854	1.06673	1
XLOC_000715	LCE1B	chr1:152784446-152785580	0.0507144	0.106776	1.07413	1
XLOC_008486	EIF3C,EIF3CL	chr16:28390899-28437775	0.0226034	0.0477448	1.07881	1
XLOC_013201	AHCTF1P1	chr2:162355577-162364413	0.00301628	0.00637566	1.0798	1
XLOC_012806	MATN3	chr2:20191812-20212455	0.0120366	0.0254803	1.08195	1
XLOC_000020	TAS1R3	chr1:1266725-1269844	0.113943	0.242384	1.08898	1
XLOC_004989	LGR5	chr12:71833812-71978621	0.0169278	0.0360615	1.09106	1
XLOC_011094	VN1R2	chr19:53761544-53762855	0.0358176	0.076442	1.0937	1
XLOC_010466	AMH	chr19:2249112-2252072	0.247095	0.527444	1.09395	0.715731
XLOC_002232	ACTA1	chr1:229566992-229569840	0.554826	1.18462	1.09432	0.180428
XLOC_021636	LY96	chr8:74903563-74941307	0.914852	1.97237	1.10832	0.195403
XLOC_011053	MYBPC2	chr19:50936159-50969583	0.0112113	0.0242559	1.11339	1
XLOC_010109	PTPRM	chr18:7567313-8406859	0.0114095	0.0246873	1.11353	1
XLOC_022331	ATP8B5P	chr9:35406751-35483026	0.0194005	0.0420766	1.11692	1
XLOC_013271	CALCRL	chr2:188206689-188313027	0.00420008	0.00911547	1.1179	1
XLOC_018610	HUS1B	chr6:485137-693141	0.470352	1.02415	1.12261	0.904448
XLOC_011197	RFPL4A	chr19:56270506-56274541	0.142272	0.311316	1.12973	1
XLOC_002126	LOC730227	chr1:203267885-203274453	0.0070653	0.0155569	1.13873	1
XLOC_003122	CALHM1	chr10:105213143-10521864	0.0179111	0.0394881	1.14057	1
XLOC_013621	MYH7B	chr20:33543703-33680618	0.0358183	0.0790011	1.14118	1
XLOC_011295	C19orf35	chr19:2274630-2282181	0.0408829	0.0904157	1.14508	1
XLOC_010037	PDE6G	chr17:79617488-79623607	0.0301716	0.0667577	1.14574	1
XLOC_021339	ATP6V0A4	chr7:138391038-138490760	0.0109892	0.0243579	1.14831	1
XLOC_005468	KRT5	chr12:52908358-52914243	0.0975058	0.217182	1.15535	1
XLOC_013159	ANKRD30BL	chr2:132905163-133015542	0.0419829	0.0939355	1.16187	1
XLOC_013313	MPP4	chr2:202509596-202563417	0.0111873	0.0253084	1.17776	1
XLOC_009840	SAMD14	chr17:48172100-48207246	0.0166718	0.0379278	1.18585	1
XLOC_014746	ZNRF3-AS1	chr22:29279754-29453476	0.0279514	0.0636813	1.18795	1
XLOC_013589	CCM2L	chr20:30598244-30619984	0.0237136	0.0540431	1.1884	1
XLOC_018104	HIST1H3E	chr6:26225382-26225844	0.197366	0.44991	1.18876	0.742477
XLOC_014717	VPREB3	chr22:24094929-24096630	0.316361	0.721583	1.18959	0.562358
XLOC_011602	SBSN	chr19:36014268-36019253	0.0327331	0.07508	1.19768	1
XLOC_022580	LCN2	chr9:130911731-130915734	0.0752298	0.17267	1.19865	1
XLOC_001146	VN1R5	chr1:247419373-247420447	0.0196967	0.0452095	1.19868	1
XLOC_019016	BVES	chr6:105544698-105585040	0.00289057	0.00664647	1.20123	1
XLOC_018195	LTA	chr6:31539875-31542100	0.0825291	0.189791	1.20143	1
XLOC_023974	NOX1	chrX:100098312-100129333	0.0297257	0.0684175	1.20266	1
XLOC_011052	SPIB	chr19:50922194-50934309	0.0789885	0.181914	1.20354	1
XLOC_016240	DEFB131	chr4:9446259-9452240	0.594534	1.37073	1.20511	0.82774
XLOC_015534	LRRC33	chr3:196366655-196388874	0.116019	0.267707	1.20629	1
XLOC_019048	FRK	chr6:116262692-116381927	0.0149648	0.0345758	1.20819	1
XLOC_018589	PLG	chr6:161123224-161175080	0.00790827	0.0182989	1.21032	1
XLOC_016747	SRD5A3-AS1	chr4:56212387-56251747	0.0335905	0.0779716	1.2149	1
XLOC_015795	PTPRG-AS1	chr3:61547242-62304622	0.00664228	0.0155038	1.22287	1

XLOC_015174	PRICKLE2-AS3	chr3:64053639-64211131	0.00561842	0.0131577	1.22767	1
XLOC_013951	SLA2	chr20:35201875-35274619	0.0224156	0.0525027	1.22789	1
XLOC_007312	GOLGA6C	chr15:75550898-75565796	0.00285942	0.00669765	1.22793	1
XLOC_003217	NLRP6	chr11:278569-285388	0.0284153	0.0666743	1.23046	1
XLOC_014780	C22orf24	chr22:32329506-32353590	0.0300807	0.0707369	1.23363	1
XLOC_016058	SLC7A14	chr3:170177341-17030386	0.00151259	0.00359222	1.24786	1
XLOC_011373	FCER2	chr19:7753642-7767032	0.0713661	0.170173	1.2537	1
XLOC_001093	HIST3H2BB	chr1:228645807-22864625	0.149367	0.356327	1.25434	0.809759
XLOC_019182	PRR18	chr6:166719167-16672187	0.0121128	0.0289372	1.25639	1
XLOC_001751	NBPF7	chr1:120377387-12038777	0.0387665	0.0929472	1.2616	1
XLOC_009909	CD79B	chr17:62006097-62009704	0.0217716	0.0522591	1.26324	1
XLOC_021944	MBOAT4	chr8:29920257-30108213	0.012907	0.0311656	1.2718	1
XLOC_010957	HIF3A	chr19:46720994-46846690	0.00408234	0.00991567	1.28031	1
XLOC_008290	LINC00304	chr16:89225627-89230083	0.0539393	0.131077	1.28101	1
XLOC_023832	SYN1	chrX:47420498-47479256	0.0147247	0.0358552	1.28395	1
XLOC_023529	RAB40AL	chrX:102192199-10219322	0.0412918	0.101399	1.29611	1
XLOC_018196	TNF	chr6:31543343-31546112	0.0127904	0.0317338	1.31096	1
XLOC_020593	DPY19L2P4	chr7:89748713-89754914	0.0237279	0.0589405	1.31268	1
XLOC_002814	PROSER2-AS1	chr10:11865396-11936709	0.00574892	0.014295	1.31415	1
XLOC_022529	LOC100288842	chr9:123555774-12356100	0.275571	0.685809	1.31539	0.467892
XLOC_001579	HSD52	chr1:59597607-59612479	0.0506135	0.126426	1.3207	1
XLOC_005679	TMEM119	chr12:108983621-1089918	0.00792693	0.0198345	1.32318	1
XLOC_002938	ASAH2	chr10:51946999-52008370	0.0257358	0.0644066	1.32343	1
XLOC_010326	KLHL14	chr18:30252633-30352974	0.0152696	0.0383695	1.3293	1
XLOC_021038	CAMK2B	chr7:44256748-44365230	0.0179235	0.0450775	1.33056	1
XLOC_010058	CD7	chr17:80272745-80275480	0.0691133	0.174007	1.33211	1
XLOC_012639	GPBAR1	chr2:219125737-21912858	0.211338	0.532541	1.33334	0.265949
XLOC_013618	MAP1LC3A	chr20:33134687-33148149	0.113559	0.28637	1.33444	1
XLOC_001576	TACSTD2	chr1:59041094-59043166	0.0151391	0.0382635	1.33769	1
XLOC_003564	GNG3	chr11:62457733-62494857	0.0682841	0.173299	1.34364	1
XLOC_003068	TLL2	chr10:98124362-98273683	0.0149315	0.0380366	1.34903	1
XLOC_001090	GJC2	chr1:228337414-22834752	0.0580776	0.148166	1.35117	1
XLOC_004893	PDE1B	chr12:54943176-54973023	0.00630292	0.0161103	1.35389	1
XLOC_005826	SNORA27	chr13:27825691-27830702	20.7079	53.0312	1.35666	0.871957
XLOC_014749	RASL10A	chr22:29708921-29711745	0.17486	0.449691	1.36274	0.505328
XLOC_018682	HIST1H4D	chr6:26188937-26189304	0.426804	1.10105	1.36723	0.556835
XLOC_022212	LOC100133669	chr8:144063447-14409980	0.0397088	0.102654	1.37026	1
XLOC_023530	BEX4	chrX:102470019-10247212	0.0878316	0.227127	1.37069	1
XLOC_012274	SH2D6	chr2:85661917-85664152	0.0318971	0.0826655	1.37386	1
XLOC_005635	USP44	chr12:95910887-95945263	0.00390405	0.0101745	1.38191	1
XLOC_022655	LCN1	chr9:138413283-13841838	0.0319053	0.0836056	1.3898	1
XLOC_007525	SPTBN5	chr15:42120282-42186275	0.00994869	0.0261562	1.39458	1
XLOC_023440	MSN	chrX:64887510-64961793	0.00844586	0.022209	1.39483	1
XLOC_016175	SCARNA22	chr4:1873122-1983934	30.1716	79.476	1.39733	0.926446
XLOC_006119	LPAR6	chr13:48877882-49056026	0.00551468	0.0145296	1.39764	1
XLOC_001621	UOX	chr1:84830640-84863576	0.00864215	0.0227734	1.39789	1
XLOC_018249	PACSIN1	chr6:34433837-34503000	0.015773	0.0415916	1.39884	1
XLOC_004860	KRT86	chr12:52695648-52702947	0.0278307	0.0734947	1.40096	1
XLOC_003571	SLC22A9	chr11:63014620-63330855	0.0143385	0.0379497	1.4042	1
XLOC_008326	GNG13	chr16:838621-850733	0.0283982	0.0753011	1.40687	1
XLOC_007474	CHRFAM7A	chr15:30653442-30685864	0.0297549	0.0790994	1.41054	1
XLOC_016212	AFAP1-AS1	chr4:7755816-7941653	0.00500223	0.0133039	1.41121	1
XLOC_021476	KIAA1456	chr8:12803182-12887284	0.00460049	0.0122459	1.41244	1
XLOC_007563	MYEF2	chr15:48413168-48470558	0.00246819	0.00657897	1.41441	1
XLOC_023859	LOC158572	chrX:49641326-49643959	0.0235469	0.0628513	1.41641	1
XLOC_005884	CPB2-AS1	chr13:46626982-46679211	0.00369132	0.00988008	1.42039	1
XLOC_001147	NLRP3	chr1:247579457-24761240	0.0773691	0.207113	1.42059	1
XLOC_018379	DDX43	chr6:74104284-74127289	0.00500155	0.013397	1.42147	1
XLOC_023079	SNORA65	chr9:130209552-13021371	5.91003	15.874	1.42542	0.87867
XLOC_003823	NCAM1	chr11:112831968-1131491	0.00250994	0.00674437	1.42603	1
XLOC_006798	C14orf183	chr14:50550368-50559361	0.0373203	0.100295	1.42621	1
XLOC_014016	PREX1	chr20:47240792-47444420	0.0123032	0.0331107	1.42826	1
XLOC_018007	FLT4	chr5:180028505-18007662	0.00511449	0.0137674	1.4286	1
XLOC_000672	C1orf54	chr1:150245182-15025333	0.190079	0.511888	1.42923	0.450904
XLOC_007282	NR2E3	chr15:72102893-72110597	0.0316954	0.0855961	1.43327	1
XLOC_010311	ZNF521	chr18:22641887-22932214	0.0335046	0.0907392	1.43737	1
XLOC_004491	MMP10	chr11:102641232-1026513	0.00792144	0.0215405	1.44322	1
XLOC_014911	SYCE3	chr22:50989540-51001328	0.123305	0.3354	1.44365	1
XLOC_005938	C13orf45	chr13:76445173-76457948	0.0140757	0.0383549	1.44621	1
XLOC_015031	SNORA6	chr3:39448203-39454032	2.05745	5.61503	1.44844	0.897782
XLOC_016749	PDCL2	chr4:56422691-56458379	0.017262	0.0472323	1.45217	1
XLOC_016193	NSG1	chr4:4387982-4543775	0.00706255	0.0193378	1.45316	1
XLOC_011024	SNORD33	chr19:49990810-49995564	57.5391	158.495	1.46182	0.912776
XLOC_0011899	SIGLEC10	chr19:51913274-51921057	0.00645926	0.0178159	1.46373	1
XLOC_023577	LUZP4	chrX:114524291-11454212	0.00775489	0.021394	1.46403	1
XLOC_013268	FRZB	chr2:183698004-18373149	0.00596528	0.0164604	1.46433	1
XLOC_014917	CNTN4	chr3:2140549-3099645	0.00258298	0.00713186	1.46524	1
XLOC_022525	PAPPA	chr9:118916070-11916460	0.00131632	0.00363782	1.46656	1
XLOC_002178	C1orf227	chr1:213003484-21302099	0.0425325	0.117599	1.46724	1

XLOC_018583	PNLDC1	chr6:160221300-16024173	0.0261825	0.0726018	1.4714	1
XLOC_009110	HIGD1B	chr17:42923720-42976993	0.0956958	0.265567	1.47255	1
XLOC_005454	CELA1	chr12:51722226-51740463	0.0219032	0.0609036	1.47539	1
XLOC_018101	HIST1H2BF	chr6:26199786-26200216	0.353862	0.986284	1.47882	0.539391
XLOC_004253	FADS1	chr11:61567096-61584529	0.00343222	0.00957256	1.47976	1
XLOC_001997	GPA33	chr1:167022081-16705986	0.00623322	0.0174981	1.48915	1
XLOC_014025	FAM65C	chr20:49202646-49253426	0.00471378	0.0132465	1.49065	1
XLOC_003166	WDR11-AS1	chr10:122216465-1228068	0.0192233	0.0540911	1.49253	1
XLOC_022381	FOXDL3	chr9:70917782-70920000	0.0118552	0.0334676	1.49725	1
XLOC_009299	PRCD	chr17:74523429-74541458	0.102689	0.290365	1.49958	1
XLOC_002627	C10orf62	chr10:99344101-99372555	0.0144577	0.0408912	1.49996	1
XLOC_003596	LOC100996455	chr11:64216528-64219128	0.0138178	0.0392215	1.50512	1
XLOC_000578	SLC6A17	chr1:110693131-11074482	0.00291695	0.00834337	1.51617	1
XLOC_007982	SNX29P1	chr16:21360683-21397254	0.0206678	0.0591668	1.51741	1
XLOC_002131	KISS1	chr1:204159468-20416561	0.0447222	0.128093	1.51812	1
XLOC_003590	TEX40	chr11:64067862-64072239	0.0349299	0.100276	1.52144	1
XLOC_003607	SLC22A20	chr11:64981310-65010228	0.0659632	0.189836	1.52502	1
XLOC_013998	WFDC3	chr20:44402846-44420547	0.0407052	0.117419	1.52838	1
XLOC_012608	SNORA41	chr2:207024317-20702765	2.43136	7.02834	1.53142	0.918342
XLOC_017308	CSF2	chr5:131409484-13141186	0.0274096	0.0792525	1.53178	1
XLOC_009689	KRTAP3-3	chr17:39149681-39150385	0.0285966	0.0827036	1.5321	1
XLOC_008029	SNX29P2	chr16:29313607-29376380	0.0135964	0.0393918	1.53467	1
XLOC_012651	CYP27A1	chr2:219646471-21968001	0.0208466	0.0604038	1.53483	1
XLOC_022237	SCRT1	chr8:145554453-14555994	0.0102294	0.0298322	1.54416	1
XLOC_024180	L1CAM	chrX:153126970-15314139	0.00396933	0.0115817	1.54489	1
XLOC_008689	MAF	chr16:79627744-79634622	0.00537191	0.0157629	1.55303	1
XLOC_020691	GPR22	chr7:106809405-10721896	0.00493158	0.0144767	1.55361	1
XLOC_023181	CLIC3	chr9:139889059-13989102	0.0578166	0.170063	1.55652	1
XLOC_011613	SYNE4	chr19:36494001-36499672	0.104189	0.308088	1.56414	1
XLOC_007504	FSIP1	chr15:39892231-40075039	0.0096603	0.0288338	1.57762	1
XLOC_011497	EPHX3	chr19:15337729-15343858	0.0516694	0.154595	1.58111	1
XLOC_008352	NOXO1	chr16:2028917-2031550	0.229513	0.688664	1.58522	0.0944715
XLOC_021564	IDO1	chr8:39771327-39786309	0.0334221	0.101252	1.59908	1
XLOC_011541	CERS1	chr19:18979360-19006953	0.073719	0.223566	1.60059	1
XLOC_006403	LOC100506321	chr14:65381078-65569413	0.0420436	0.127546	1.60106	1
XLOC_020614	ASB4	chr7:95115212-95169543	0.00337028	0.0102324	1.6022	1
XLOC_004269	LRRN4CL	chr11:62453873-62457371	0.0533133	0.16249	1.60778	1
XLOC_016818	TMEM150C	chr4:83405603-83483126	0.0245877	0.0766688	1.6407	1
XLOC_008109	CAPNS2	chr16:55542912-55620582	0.0188456	0.0590493	1.64769	1
XLOC_004442	DLG2	chr11:83166055-85338314	0.00541101	0.0170615	1.65677	1
XLOC_021163	HEPACAM2	chr7:92817898-92855782	0.00749651	0.0237064	1.66098	1
XLOC_013402	SLC19A3	chr2:228549925-22858274	0.0044364	0.0140995	1.66819	1
XLOC_018043	PIP5K1P1	chr6:7727010-8102828	0.0043061	0.0137023	1.66996	1
XLOC_017314	IL13	chr5:131993864-13199680	0.0599118	0.192436	1.68346	1
XLOC_010424	GZMM	chr19:544033-549920	0.207024	0.670645	1.69575	0.267772
XLOC_002613	C10orf131	chr10:97471535-97849992	0.0393306	0.127439	1.69609	1
XLOC_000729	S100A1	chr1:153591275-15361878	0.152003	0.493157	1.69795	0.845125
XLOC_015555	OXTR	chr3:8792094-8811300	0.0600357	0.197146	1.71537	1
XLOC_022495	TAL2	chr9:108424737-10842538	0.137108	0.452944	1.72401	0.395325
XLOC_002888	SEPT7L	chr10:38671997-38691780	0.0446912	0.148043	1.72795	1
XLOC_020718	WNT16	chr7:120965420-12098115	0.0106916	0.0359607	1.74995	1
XLOC_000505	BTBD8	chr1:92545861-92613401	0.0228142	0.0770358	1.7556	1
XLOC_009098	FAM215A	chr17:41994575-41995355	0.0423194	0.142969	1.75631	1
XLOC_013018	SFTPB	chr2:85884439-85895864	0.0148657	0.0504752	1.76359	1
XLOC_000254	DCDC2B	chr1:32674694-32681797	0.0151238	0.0514127	1.76531	1
XLOC_016443	MTTP	chr4:100485239-10054515	0.00714356	0.0242997	1.76622	1
XLOC_014825	DMC1	chr22:38914953-38966189	0.0173604	0.0591572	1.76875	1
XLOC_002557	OPN4	chr10:88414313-88426216	0.01099	0.0374522	1.76886	1
XLOC_018214	CFB	chr6:31913720-31919861	0.00645251	0.021994	1.76918	1
XLOC_000600	AKR7A2P1	chr1:113454469-11349897	0.0321978	0.110399	1.77769	1
XLOC_020467	AEBP1	chr7:44143959-44154159	0.0055487	0.0193593	1.80281	1
XLOC_004782	C12orf70	chr12:27619742-27655118	0.0462235	0.161345	1.80345	1
XLOC_014157	LOC100506385	chr21:36118121-36157168	0.0124298	0.0434023	1.80397	1
XLOC_013225	CCDC173	chr2:170501934-17055093	0.00549232	0.0194352	1.82319	1
XLOC_020625	MYH16	chr7:98870923-98895594	0.00778253	0.0275687	1.82472	1
XLOC_022994	ACTL7B	chr9:111616868-11161827	0.0238634	0.0849332	1.83153	1
XLOC_009139	LRRc46	chr17:45908992-45918699	0.15175	0.541013	1.83397	0.845125
XLOC_006881	DPF3	chr14:73136659-73360809	0.0600104	0.214415	1.83712	1
XLOC_015884	LSAMP	chr3:115521209-11616438	0.00135501	0.00484483	1.83814	1
XLOC_018692	GUSBP2	chr6:26839265-26924333	0.0439121	0.157299	1.84082	1
XLOC_011661	LRFN1	chr19:39797456-39805976	0.0142732	0.0512097	1.84311	1
XLOC_023621	LINC00629	chrX:133684053-13369442	0.0115527	0.0418502	1.857	1
XLOC_008553	ANKRD26P1	chr16:46503248-46603009	0.00212841	0.00782671	1.87863	1
XLOC_018591	PACRG	chr6:161768589-16374550	0.0116091	0.0429001	1.88573	1
XLOC_000368	LURAP1	chr1:46654352-46686928	0.00998523	0.0369216	1.8866	1
XLOC_006835	GPR135	chr14:59930239-59932059	0.106398	0.393751	1.88781	0.351316
XLOC_0007124	CHRM5	chr15:34158427-34357287	0.00489018	0.0181187	1.88952	1
XLOC_020717	CPED1	chr7:120628750-12093749	0.00235065	0.00883267	1.90979	1
XLOC_001909	C10orf61	chr1:156374054-15639918	0.0226728	0.0852366	1.91051	1

XLOC_000563	SYPL2	chr1:110009099-110024764	0.0051797	0.0195466	1.91598	1
XLOC_016376	CXCL1	chr4:74735108-74737019	0.113888	0.431821	1.92282	0.127726
XLOC_000357	BTBD19	chr1:45274153-45279801	0.0206259	0.0795017	1.94653	1
XLOC_011608	HSPB6	chr19:36245466-36247930	0.0182573	0.0707317	1.95388	1
XLOC_016188	HGFAC	chr4:3443725-3451213	0.0153412	0.0598103	1.96299	1
XLOC_005539	MYO1A	chr12:57422300-57444549	0.0133395	0.0521882	1.96802	1
XLOC_006399	PPP1R36	chr14:65016619-65056096	0.0124339	0.0493011	1.98734	1
XLOC_005686	FOXN4	chr12:109715782-10974702	0.0127028	0.0510597	2.00704	1
XLOC_004502	CASP1	chr11:104896236-10490588	0.0513331	0.208035	2.01886	1
XLOC_015604	EFHB	chr3:19920965-19975706	0.0087768	0.0355714	2.01895	1
XLOC_007789	LOC91948	chr15:98285845-98417659	0.0175424	0.0719403	2.03595	1
XLOC_018524	ECT2L	chr6:139117247-139225207	0.023526	0.0973009	2.0482	1
XLOC_015758	SEMA3G	chr3:52467267-52479043	0.00441619	0.0185245	2.06856	1
XLOC_011794	SLC8A2	chr19:47931278-47975307	0.00591899	0.0248325	2.06881	1
XLOC_005235	VWF	chr12:6058039-6233836	0.00231052	0.0097387	2.07551	1
XLOC_022557	OLFML2A	chr9:127539436-127577155	0.00324866	0.0137025	2.07652	1
XLOC_018596	CCR6	chr6:167525294-167552625	0.0192566	0.0815592	2.08249	1
XLOC_017094	PDZD2	chr5:31799030-32111038	0.0014917	0.00635177	2.0902	1
XLOC_002157	PIGR	chr1:207101866-207119817	0.00453826	0.0194861	2.10223	1
XLOC_008546	SLC6A10P	chr16:32888796-32896463	0.01591	0.0686056	2.1084	1
XLOC_010041	PPP1R27	chr17:79791367-79792926	0.0424051	0.183288	2.1118	1
XLOC_009458	YBX2	chr17:7191570-7197876	0.016756	0.0724492	2.11229	1
XLOC_023299	CXorf58	chrX:23926122-23957624	0.0101392	0.0451519	2.15484	1
XLOC_006355	PTGER2	chr14:52781015-52795322	0.0148942	0.0672184	2.17411	1
XLOC_020480	C7orf57	chr7:48075107-48100894	0.00815174	0.0368847	2.17784	1
XLOC_009541	CCDC144B	chr17:18441114-18528930	0.00136367	0.0061784	2.17974	1
XLOC_002634	CNNM1	chr10:101088855-10115408	0.0030356	0.0137801	2.18253	1
XLOC_002570	CFL1P1	chr10:89578069-89605369	0.0071926	0.0328756	2.19243	1
XLOC_013668	GDAP1L1	chr20:42875738-42909557	0.00697596	0.0320776	2.2011	1
XLOC_004625	TP53AIP1	chr11:128804626-12881325	0.0174065	0.0839609	2.27009	1
XLOC_022549	CRB2	chr9:126118447-126141032	0.014309	0.0693268	2.27649	1
XLOC_004546	APOA1	chr11:116706468-11670832	0.0329174	0.16116	2.29157	1
XLOC_000815	NHLH1	chr1:160336860-160342638	0.028746	0.14438	2.32844	1
XLOC_020913	ZNF890P	chr7:5160940-5184177	0.0126826	0.0639808	2.33479	1
XLOC_008180	RLTPR	chr16:67679029-67694718	0.00629514	0.0335161	2.41254	1
XLOC_004063	SCUBE2	chr11:9041046-9113150	0.00418487	0.0225713	2.43124	1
XLOC_016373	IL8	chr4:74606222-74609433	0.0667311	0.373558	2.4849	0.0596414
XLOC_009647	GPR179	chr17:36481492-36499693	0.00198948	0.0114817	2.52888	1
XLOC_009690	KRTAP3-2	chr17:39155444-39156138	0.0336398	0.195305	2.53749	1
XLOC_000290	DNALI1	chr1:38022519-38061586	0.00573879	0.037266	2.69904	1
XLOC_023015	SLC46A2	chr9:115641199-115653192	0.00922528	0.0621934	2.7531	1
XLOC_014652	ACR	chr22:51176651-51183277	0.0174961	0.120647	2.78569	1
XLOC_016056	LOC100128164	chr3:169661771-169684522	0.00257833	0.018857	2.87059	1
XLOC_000448	IL12RB2	chr1:67773046-67862583	0.00395107	0.0302251	2.93543	1
XLOC_018270	RAB44	chr6:36665627-36700960	0.00496526	0.0432354	3.12227	1
XLOC_004608	ROBO4	chr11:124754113-12476783	0.016841	0.154435	3.19695	1
XLOC_010998	SPACA4	chr19:49103856-49116694	0.0289543	0.283133	3.28963	1
XLOC_021028	LOC100506895	chr7:43152197-43602938	0.00506134	0.0513273	3.34214	1
XLOC_008187	NRN1L	chr16:67918780-67920271	0.0637512	0.660143	3.37225	0.680313
XLOC_011189	SSC5D	chr19:55999869-56030466	0.00447449	0.0476913	3.41393	1
XLOC_011301	DIRAS1	chr19:2714564-2721390	0.00638402	0.0846426	3.72885	1
XLOC_014605	RNU12	chr22:43011250-43011399	0	1.83511 inf	0.346561	1
XLOC_002032	SNORD47	chr1:173832385-173837125	0	433.509 inf	0.384848	1
XLOC_000352	SNORD55	chr1:45241245-45244412	0	340.835 inf	0.409587	1
XLOC_022636	SNORD36A	chr9:136215068-136218280	0	201.26 inf	0.464311	1
XLOC_015613	MIR4442	chr3:25706363-25706430	0	579.061 inf	0.482596	1
XLOC_008358	SNORD60	chr16:2205023-2205106	0	74.0416 inf	0.482596	1
XLOC_009232	SNORD104	chr17:62223437-62223517	0	89.7563 inf	0.482596	1
XLOC_006920	SNORA79	chr14:81641795-81687575	0	37.3936 inf	0.509535	1
XLOC_008838	SCARNA21	chr17:7788122-7816075	0	3.21514 inf	0.648194	1
XLOC_023305	SCARNA23	chrX:24712063-25015102	0	4.85069 inf	0.657414	1
XLOC_005244	SCARNA11	chr12:6679247-6716551	0	3.83053 inf	0.663499	1
XLOC_000464	SNORD45A	chr1:76251878-76260775	0	69.7027 inf	0.67045	1
XLOC_022454	MIR23B	chr9:97488950-97849500	0	44.6711 inf	0.672415	1
XLOC_004465	SNORA1	chr11:93465169-93465299	0	2.02204 inf	1	1
XLOC_013967	SNORA71C	chr20:37049238-37064018	0	1.6281 inf	1	1
XLOC_015943	SNORA7B	chr3:129101676-129118228	0	1.50144 inf	1	1
XLOC_017364	VTRNA1-1	chr5:140090860-140090958	0	21.7197 inf	1	1
XLOC_000353	SNORD46	chr1:45241245-45244412	0	12.1732 inf	1	1
XLOC_023081	MIR3911	chr9:130374485-130454995	0	6.03159 inf	1	1
XLOC_000055	ESPN	chr1:6484847-6521004	0	0.0383756 inf	1	1
XLOC_000138	PADI4	chr1:17634689-17690495	0	0.0225138 inf	1	1
XLOC_000143	KLHDC7A	chr1:18807423-18812480	0	0.00694766 inf	1	1
XLOC_000155	CDA	chr1:20915443-20945400	0	0.0209364 inf	1	1
XLOC_000159	ALPL	chr1:21835857-21904905	0	0.00895567 inf	1	1
XLOC_000160	LDLRAD2	chr1:22138757-22263750	0	0.0162109 inf	1	1
XLOC_000166	EPHA8	chr1:22890003-22930087	0	0.0294368 inf	1	1
XLOC_000201	CATSPER4	chr1:26517118-26529033	0	0.0133201 inf	1	1
XLOC_000260	ZBTB8B	chr1:32930657-32953459	0	0.00337844 inf	1	1

XLOC_000283	TEKT2	chr1:36549675-36553876	0	0.0117916	inf	1
XLOC_000305	TMCO2	chr1:40713572-40717365	0	0.0226433	inf	1
XLOC_000384	FOXE3	chr1:47881743-47883724	0	0.0443389	inf	1
XLOC_000411	C1orf177	chr1:55271735-55307937	0	0.00960438	inf	1
XLOC_000469	AK5	chr1:77747661-78025654	0	0.0080412	inf	1
XLOC_000473	GIPC2	chr1:78511588-78603112	0	0.0128826	inf	1
XLOC_000479	PRKACB	chr1:84543744-84704181	0	0.00725705	inf	1
XLOC_000490	CLCA3P	chr1:87099958-87121059	0	0.00323969	inf	1
XLOC_000503	BRDT	chr1:92414927-92479985	0	0.00346142	inf	1
XLOC_000594	LOC643355	chr1:112533189-112541463	0	0.0130805	inf	1
XLOC_000665	HIST2H2AA3	chr1:149822627-149823167	0	0.070308	inf	1
XLOC_000701	LCE5A	chr1:152483319-152484653	0	0.0260864	inf	1
XLOC_000761	POU5F1P4	chr1:155305051-155533733	0	0.0180131	inf	1
XLOC_000767	RXFP4	chr1:155911479-155912623	0	0.0675683	inf	1
XLOC_000769	RAB25	chr1:156030965-156040293	0	0.093195	inf	1
XLOC_000788	CD1D	chr1:158149736-158156216	0	0.0112967	inf	1
XLOC_000808	KCNJ9	chr1:160051359-160059212	0	0.0114145	inf	1
XLOC_000809	ATP1A2	chr1:160085519-160113374	0	0.00279099	inf	1
XLOC_000851	LOC440700	chr1:165667986-165679193	0	0.0134545	inf	1
XLOC_000858	RCS1	chr1:167599473-167675486	0	0.0144741	inf	1
XLOC_000865	XCL1	chr1:168545710-168551313	0	0.0098268	inf	1
XLOC_000885	C1orf105	chr1:172389827-172437963	0	0.014688	inf	1
XLOC_000990	LAX1	chr1:203734283-203745483	0	0.00409282	inf	1
XLOC_000997	CNTN2	chr1:205012339-205047177	0	0.00220054	inf	1
XLOC_001046	LINC00538	chr1:214098091-214099996	0	0.00719316	inf	1
XLOC_001055	TGFB2	chr1:218517537-218617967	0	0.00223515	inf	1
XLOC_001135	LOC339529	chr1:244080703-244210613	0	0.00751671	inf	1
XLOC_001224	TTC34	chr1:2572806-2706230	0	0.0165221	inf	1
XLOC_001261	C1orf127	chr1:11006529-11042094	0	0.006753	inf	1
XLOC_001345	HTR1D	chr1:23518387-23521222	0	0.00579526	inf	1
XLOC_001404	LAPTM5	chr1:31205314-31230683	0	0.0211747	inf	1
XLOC_001415	COL16A1	chr1:32117847-32169768	0	0.0134229	inf	1
XLOC_001491	GUCA2A	chr1:42628361-42630395	0	0.08321	inf	1
XLOC_001561	LDLRAD1	chr1:54472970-54483859	0	0.00663332	inf	1
XLOC_001586	LINC00466	chr1:63624753-63782901	0	0.00803568	inf	1
XLOC_001594	C1orf141	chr1:67557858-67600654	0	0.00540094	inf	1
XLOC_001724	PTPN22	chr1:114356432-114447774	0	0.00991466	inf	1
XLOC_001727	SYT6	chr1:114631913-114696472	0	0.00318629	inf	1
XLOC_001742	VTCN1	chr1:117686208-117753558	0	0.00549264	inf	1
XLOC_001821	LINGO4	chr1:151772764-151777882	0	0.00817835	inf	1
XLOC_001867	NUP210L	chr1:153965167-154127592	0	0.0139763	inf	1
XLOC_001875	KCNN3	chr1:154669941-154842754	0	0.00206077	inf	1
XLOC_001907	VHLL	chr1:156268414-156269428	0	0.0963413	inf	1
XLOC_001920	INSRR	chr1:156776034-156851642	0	0.0052433	inf	1
XLOC_001938	SPTA1	chr1:158580495-158656506	0	0.00159044	inf	1
XLOC_001951	IGSF9	chr1:159896828-159915386	0	0.0110537	inf	1
XLOC_001960	CD84	chr1:160510883-160549306	0	0.00157531	inf	1
XLOC_001974	ADAMTS4	chr1:161159537-161168843	0	0.0135077	inf	1
XLOC_001977	MPZ	chr1:161274524-161279762	0	0.0186702	inf	1
XLOC_001983	C1orf111	chr1:162343514-162346644	0	0.0181258	inf	1
XLOC_001989	RXRG	chr1:165370158-165414592	0	0.00962588	inf	1
XLOC_002000	ADCY10	chr1:167778624-167883452	0	0.00700015	inf	1
XLOC_002010	F5	chr1:169481191-169555763	0	0.00121189	inf	1
XLOC_002050	SEC16B	chr1:177898241-177939050	0	0.0036348	inf	1
XLOC_002055	NPHS2	chr1:179334854-179545084	0	0.00915459	inf	1
XLOC_002072	APOBEC4	chr1:183605207-183897666	0	0.00480352	inf	1
XLOC_002075	FAM129A	chr1:184760165-184943682	0	0.00384592	inf	1
XLOC_002121	LOC401980	chr1:202955579-202976392	0	0.0154882	inf	1
XLOC_002122	MYOG	chr1:203052256-203055166	0	0.0141391	inf	1
XLOC_002155	IL10	chr1:206940947-206945833	0	0.00895066	inf	1
XLOC_002237	AGT	chr1:230838271-230850336	0	0.00683252	inf	1
XLOC_002324	AKR1C3	chr10:5090957-5149878	0	0.0119711	inf	1
XLOC_002341	CELF2	chr10:11047258-11378672	0	0.00169879	inf	1
XLOC_002363	TMEM236	chr10:17794259-17842866	0	0.00460894	inf	1
XLOC_002440	ANXA8L2	chr10:47746919-47763040	0	0.00769919	inf	1
XLOC_002452	C10orf71	chr10:50507186-50535537	0	0.00511029	inf	1
XLOC_002492	SRGN	chr10:70847827-70864567	0	0.0123841	inf	1
XLOC_002533	LINC00856	chr10:80008381-80012402	0	0.00589751	inf	1
XLOC_002534	LINC00595	chr10:80027084-80039970	0	0.0225978	inf	1
XLOC_002543	PLAC9	chr10:81892257-81904784	0	0.323361	inf	1
XLOC_002548	SH2D4B	chr10:82297657-82406316	0	0.0203096	inf	1
XLOC_002601	FFAR4	chr10:95326421-95349829	0	0.00402187	inf	1
XLOC_002610	CYP2C9	chr10:96698414-96749148	0	0.00754715	inf	1
XLOC_002702	PLEKHS1	chr10:115511212-11554213	0	0.0071878	inf	1
XLOC_002744	HMX2	chr10:124907637-124910118	0	0.0187333	inf	1
XLOC_002782	TUBB8	chr10:92827-95178	0	0.0240276	inf	1
XLOC_002806	SFMBT2	chr10:7200585-7453448	0	0.00178765	inf	1
XLOC_002807	ITH5	chr10:7601231-7708961	0	0.00868765	inf	1
XLOC_002847	EBLN1	chr10:22497742-22498912	0	0.0108112	inf	1

XLOC_002886	ZNF33BP1	chr10:38065453-38147012	0	0.00868937	inf	1
XLOC_002892	RASGEF1A	chr10:43689983-43762367	0	0.00982508	inf	1
XLOC_002898	TMEM72-AS1	chr10:45306471-45455137	0	0.00836542	inf	1
XLOC_002901	RSU1P2	chr10:45594923-45650044	0	0.00751921	inf	1
XLOC_002950	M1	chr10:61496747-61513203	0	0.046042	inf	1
XLOC_002953	ANK3	chr10:61786055-62493284	0	0.00135644	inf	1
XLOC_002976	NODAL	chr10:72191691-72201465	0	0.0156178	inf	1
XLOC_003021	MAT1A	chr10:82031575-82049434	0	0.00462852	inf	1
XLOC_003084	HPSE2	chr10:100216833-10099563	0	0.00364075	inf	1
XLOC_003184	MMP21	chr10:127455026-12746433	0	0.00941064	inf	1
XLOC_003261	LOC650368	chr11:3402190-3430378	0	0.0261255	inf	1
XLOC_003296	C11orf42	chr11:6226797-6232365	0	0.0382116	inf	1
XLOC_003322	KRT8P41	chr11:9115909-9117737	0	0.00902292	inf	1
XLOC_003359	LDHAL6A	chr11:18477373-18501147	0	0.0207345	inf	1
XLOC_003437	F2	chr11:46740742-46761056	0	0.0186194	inf	1
XLOC_003446	FAM180B	chr11:47608229-47610746	0	0.0132857	inf	1
XLOC_003490	P2RX3	chr11:57105840-57137549	0	0.0242415	inf	1
XLOC_003530	MS4A10	chr11:60552820-60568778	0	0.00758644	inf	1
XLOC_003660	TBC1D10C	chr11:67171383-67177561	0	0.0333157	inf	1
XLOC_003683	SHANK2-AS1	chr11:70313960-70935808	0	0.00611555	inf	1
XLOC_003684	SHANK2-AS3	chr11:70313960-70935808	0	0.0165355	inf	1
XLOC_003697	FOLR1	chr11:71900601-71907367	0	0.0201971	inf	1
XLOC_003706	PLEKHB1	chr11:73357222-73373864	0	0.0181203	inf	1
XLOC_003729	OMP	chr11:76777991-76837198	0	0.18147	inf	1
XLOC_003848	TTC36	chr11:118398209-11840174	0	0.0530909	inf	1
XLOC_003852	CXCR5	chr11:118754474-11878161	0	0.00674256	inf	1
XLOC_003916	KCNJ5	chr11:128761312-12878795	0	0.00557763	inf	1
XLOC_004016	OR51I1	chr11:5362112-5526882	0	0.0177625	inf	1
XLOC_004018	UBQLNL	chr11:5535622-5537956	0	0.00602508	inf	1
XLOC_004046	CYB5R2	chr11:7686325-7694821	0	0.0112411	inf	1
XLOC_004073	MRV1	chr11:10562782-10715535	0	0.002398	inf	1
XLOC_004090	PLEKHA7	chr11:16809206-17035963	0	0.0034973	inf	1
XLOC_004127	MPPED2	chr11:30406039-30607930	0	0.00244299	inf	1
XLOC_004129	DCDC1	chr11:31284170-31391357	0	0.00782286	inf	1
XLOC_004140	ELF5	chr11:34500341-34535347	0	0.0186919	inf	1
XLOC_004143	PAMR1	chr11:35453375-35547176	0	0.017313	inf	1
XLOC_004155	C11orf94	chr11:45928085-45928833	0	0.102886	inf	1
XLOC_004313	GPHA2	chr11:64692142-64703360	0	0.0289292	inf	1
XLOC_004382	FLJ42102	chr11:71116791-71134400	0	0.00771291	inf	1
XLOC_004406	KCNE3	chr11:74165885-74178600	0	0.00420069	inf	1
XLOC_004420	LRRC32	chr11:76368567-76381791	0	0.00425557	inf	1
XLOC_004444	CCDC89	chr11:85394892-85397320	0	0.00564367	inf	1
XLOC_004483	TRPC6	chr11:101322294-10145465	0	0.00272091	inf	1
XLOC_004493	MMP3	chr11:102654406-10271434	0	0.00708895	inf	1
XLOC_004499	LOC643733	chr11:104772275-10478891	0	0.0293169	inf	1
XLOC_004505	CARD18	chr11:105008447-10501046	0	0.0240608	inf	1
XLOC_004529	IL18	chr11:112013973-11203484	0	0.0131575	inf	1
XLOC_004561	LOC100131626	chr11:118230295-11828953	0	0.0316224	inf	1
XLOC_004573	MCAM	chr11:119179233-11918784	0	0.0103733	inf	1
XLOC_004578	TRIM29	chr11:119981993-12000888	0	0.0202897	inf	1
XLOC_004580	MIR100HG	chr11:121959810-12207371	0	0.00374808	inf	1
XLOC_004609	HEPACAM	chr11:124789145-12480631	0	0.0102579	inf	1
XLOC_004727	KLRD1	chr12:10457049-10469850	0	0.0127366	inf	1
XLOC_004748	H2AFJ	chr12:14927269-14930936	0	0.00789186	inf	1
XLOC_004751	PTPRO	chr12:15475190-15751265	0	0.00307804	inf	1
XLOC_004767	IAPP	chr12:21417533-21548371	0	0.00643476	inf	1
XLOC_004817	H1FNT	chr12:48722762-48724062	0	0.0195562	inf	1
XLOC_004858	LINC00592	chr12:52604713-52617597	0	0.0174847	inf	1
XLOC_004872	AMHR2	chr12:53817638-53825318	0	0.012566	inf	1
XLOC_004887	LOC100240734	chr12:54452037-54516018	0	0.0477698	inf	1
XLOC_004947	DTX3	chr12:57998603-58003583	0	0.0311636	inf	1
XLOC_004988	KCNMB4	chr12:70760061-70828072	0	0.00592593	inf	1
XLOC_005002	SYT1	chr12:79257772-79845788	0	0.00245989	inf	1
XLOC_005015	NTS	chr12:86268072-86276770	0	0.0204219	inf	1
XLOC_005022	PLEKHG7	chr12:93130264-93165868	0	0.00679864	inf	1
XLOC_005051	SLC17A8	chr12:100750856-10081583	0	0.00311784	inf	1
XLOC_005062	STAB2	chr12:103981068-10416003	0	0.00468841	inf	1
XLOC_005115	DTX1	chr12:113495661-11353583	0	0.0076292	inf	1
XLOC_005177	MIR5188	chr12:125400092-12540009	0	4.06858	inf	1
XLOC_005203	P2RX2	chr12:133195402-13319891	0	0.0410657	inf	1
XLOC_005220	CACNA2D4	chr12:1901122-2027870	0	0.00303805	inf	1
XLOC_005230	FGF23	chr12:4477392-4488894	0	0.00516292	inf	1
XLOC_005234	ANO2	chr12:5671816-6055398	0	0.00399648	inf	1
XLOC_005260	CD163	chr12:7623411-7656414	0	0.00297733	inf	1
XLOC_005290	KLRC4,KLRC4-KLRK1,KLRK1	chr12:10524951-10562745	0	0.00838894	inf	1
XLOC_005300	TAS2R9	chr12:10961692-10962767	0	0.0132626	inf	1
XLOC_005326	C12orf36	chr12:13523604-13529679	0	0.00398284	inf	1
XLOC_005340	LMO3	chr12:16701305-16761148	0	0.00354771	inf	1
XLOC_005353	BCAT1	chr12:24962957-25102393	0	0.00116761	inf	1

XLOC_005369	TMTC1	chr12:29653745-29937692	0	0.00273611	inf	1
XLOC_005383	ABCD2	chr12:39945021-40013843	0	0.00219284	inf	1
XLOC_005447	FAM186A	chr12:50721094-50790405	0	0.00179818	inf	1
XLOC_005456	FIGNL2	chr12:52221675-52225701	0	0.00553778	inf	1
XLOC_005478	KRT4	chr12:53200326-53207900	0	0.00738139	inf	1
XLOC_005494	HOXC-AS5	chr12:54329111-54340328	0	0.0141454	inf	1
XLOC_005508	TESPA1	chr12:55342086-55378530	0	0.00346685	inf	1
XLOC_005524	APOF	chr12:56754354-56756583	0	0.00809904	inf	1
XLOC_005538	TAC3	chr12:57403780-57410344	0	0.0291619	inf	1
XLOC_005622	LUM	chr12:91497231-91505542	0	0.00600691	inf	1
XLOC_005690	TRPV4	chr12:110220891-11027124	0	0.00783408	inf	1
XLOC_005701	MYL2	chr12:111348623-11135840	0	0.0692254	inf	1
XLOC_005714	SDS	chr12:113830250-11384168	0	0.0129994	inf	1
XLOC_005726	NOS1	chr12:117645946-11779960	0	0.00274003	inf	1
XLOC_005755	HPD	chr12:122277432-12232657	0	0.0217964	inf	1
XLOC_005956	GPC6	chr13:93879077-95060273	0	0.00352001	inf	1
XLOC_006034	ANKRD20A19P	chr13:24481422-24523454	0	0.00666741	inf	1
XLOC_006041	SHISA2	chr13:26618734-26625198	0	0.0111324	inf	1
XLOC_006080	LINC00571	chr13:38624953-38717369	0	0.0751173	inf	1
XLOC_006086	LINC00598	chr13:40921270-41055143	0	0.00800791	inf	1
XLOC_006101	LINC00330	chr13:45373639-45383766	0	0.013131	inf	1
XLOC_006103	KCTD4	chr13:45694630-45858239	0	0.00604178	inf	1
XLOC_006112	LINC00563	chr13:46870579-46871979	0	0.0194366	inf	1
XLOC_006132	RNASEH2B-AS1	chr13:51456514-51544596	0	0.0542035	inf	1
XLOC_006144	LECT1	chr13:53277399-53313947	0	0.0103024	inf	1
XLOC_006305	NYNRIN	chr14:24867991-24888494	0	0.00220427	inf	1
XLOC_006352	GN2	chr14:52327021-52436518	0	0.00316988	inf	1
XLOC_006398	HSPA2	chr14:65007185-65009954	0	0.0231731	inf	1
XLOC_006445	VSX2	chr14:74706174-74729441	0	0.013718	inf	1
XLOC_006493	SLC24A4	chr14:92788924-92967825	0	0.00307556	inf	1
XLOC_006503	LINC00521	chr14:94463615-94478041	0	0.00903555	inf	1
XLOC_006642	SNORA28	chr14:103800338-10381136	0	2.23269	inf	1
XLOC_006649	TDRD9	chr14:104394816-10451900	0	0.00266132	inf	1
XLOC_006717	SLC7A8	chr14:23594503-23652869	0	0.00776404	inf	1
XLOC_006720	SLC22A17	chr14:23815526-23822080	0	0.0139171	inf	1
XLOC_006741	ADCY4	chr14:24787554-24804277	0	0.00595327	inf	1
XLOC_006742	RIPK3	chr14:24805226-24809242	0	0.00924164	inf	1
XLOC_006750	NOVA1	chr14:26915088-27066960	0	0.0143923	inf	1
XLOC_006789	MDGA2	chr14:47308827-48144157	0	0.00209848	inf	1
XLOC_006808	FRMD6-AS2	chr14:51921229-52197444	0	0.0289968	inf	1
XLOC_006831	SLC35F4	chr14:58030639-58332592	0	0.00836123	inf	1
XLOC_006895	PROX2	chr14:75319735-75330537	0	0.0249137	inf	1
XLOC_006908	NGB	chr14:77731833-77737655	0	0.0129625	inf	1
XLOC_006921	STON2	chr14:81726993-81893748	0	0.0119869	inf	1
XLOC_006961	LINC00341	chr14:95873603-95876427	0	0.00505206	inf	1
XLOC_006962	SYNE3	chr14:95883830-95942173	0	0.00621649	inf	1
XLOC_007018	NPAP1	chr15:24920540-24928593	0	0.00174777	inf	1
XLOC_007019	SNRPN,SNURF	chr15:25068793-25223729	0	0.0399061	inf	1
XLOC_007052	IPW	chr15:25361691-25367623	0	0.00273621	inf	1
XLOC_007116	HERC2P10	chr15:31110238-31119986	0	0.115171	inf	1
XLOC_007196	HMGNP2P46	chr15:45774679-45848928	0	0.0348424	inf	1
XLOC_007207	FGF7	chr15:49447975-49913118	0	0.00577155	inf	1
XLOC_007214	DCAF13P3	chr15:51200868-51298097	0	0.00413776	inf	1
XLOC_007234	LDHAL6B	chr15:59428167-59665071	0	0.0150315	inf	1
XLOC_007236	GCNT3	chr15:59903981-59912210	0	0.00572381	inf	1
XLOC_007254	KBTBD13	chr15:65369153-65372276	0	0.026398	inf	1
XLOC_007297	ISLR2	chr15:74421714-74429143	0	0.00792309	inf	1
XLOC_007317	ODF3L1	chr15:76016318-76032418	0	0.0187162	inf	1
XLOC_007353	GOLGA6L9	chr15:82722184-82731586	0	0.00279476	inf	1
XLOC_007368	EFTUD1P1	chr15:84748938-84795353	0	0.0262692	inf	1
XLOC_007443	NBEAP1	chr15:20874796-20961480	0	0.0444834	inf	1
XLOC_007470	GOLGA6L7P	chr15:29034979-29101720	0	0.013521	inf	1
XLOC_007505	GPR176	chr15:40091222-40213093	0	0.00397307	inf	1
XLOC_007517	PPP1R14D	chr15:41107642-41120907	0	0.0286826	inf	1
XLOC_007558	DUOX2	chr15:45384851-45406359	0	0.00831873	inf	1
XLOC_007583	BCL2L10	chr15:52401821-52404972	0	0.185191	inf	1
XLOC_007636	CILP	chr15:65488336-65503840	0	0.0133628	inf	1
XLOC_007651	SNORD16	chr15:66791652-66797193	0	15.2684	inf	1
XLOC_007665	LARP6	chr15:71123888-71146498	0	0.00814046	inf	1
XLOC_007667	CT62	chr15:71402582-71407839	0	0.00836342	inf	1
XLOC_007669	GRAMD2	chr15:72452146-72490136	0	0.00446182	inf	1
XLOC_007676	HCN4	chr15:73612199-73661605	0	0.00306582	inf	1
XLOC_007682	LOC283731	chr15:74418713-74421619	0	0.00791372	inf	1
XLOC_007683	STRA6	chr15:74471807-74502046	0	0.0161074	inf	1
XLOC_007712	LINGO1	chr15:77905368-77924709	0	0.00866714	inf	1
XLOC_007727	LOC283688	chr15:80555409-80634147	0	0.00450866	inf	1
XLOC_007750	HDGFRP3	chr15:83806803-83876770	0	0.00600469	inf	1
XLOC_007762	NTRK3	chr15:88419987-88814297	0	0.00750041	inf	1
XLOC_007781	GABARAPL3	chr15:90889762-90892679	0	0.00735136	inf	1

XLOC_007797	CERS3	chr15:100940599-10108492	0	0.0426661	inf	1
XLOC_007863	RNF151	chr16:2016874-2018976	0	0.0391945	inf	1
XLOC_007892	PRSS21	chr16:2867163-2871723	0	0.0192708	inf	1
XLOC_007908	OR1F2P	chr16:3265561-3266546	0	0.0196659	inf	1
XLOC_007956	MPV17L	chr16:15489610-15503543	0	0.00779468	inf	1
XLOC_007968	SYT17	chr16:19179637-19278554	0	0.0214814	inf	1
XLOC_007987	VWA3A	chr16:22103862-22168287	0	0.00335411	inf	1
XLOC_008014	IL21R	chr16:27413482-27464714	0	0.00354183	inf	1
XLOC_008052	ITGAL	chr16:30483982-30534506	0	0.0033383	inf	1
XLOC_008079	AHSP	chr16:31539202-31540124	0	0.0384998	inf	1
XLOC_008106	IRX6	chr16:55358470-55364672	0	0.0311133	inf	1
XLOC_008127	MT1H	chr16:56703725-56705041	0	0.183615	inf	1
XLOC_008134	CETP	chr16:56995834-57017756	0	0.0210295	inf	1
XLOC_008284	IL17C	chr16:88705000-88706882	0	0.025865	inf	1
XLOC_008291	LOC400558	chr16:89232790-89235555	0	0.0187436	inf	1
XLOC_008328	SSTR5-AS1	chr16:1114081-1131454	0	0.00796032	inf	1
XLOC_008337	PTX4	chr16:1535939-1538468	0	0.0413242	inf	1
XLOC_008344	MEIOB	chr16:1877224-1922179	0	0.0071322	inf	1
XLOC_008401	SEPT12	chr16:4827614-4846492	0	0.0269143	inf	1
XLOC_008477	ERN2	chr16:23690200-23724821	0	0.0110955	inf	1
XLOC_008490	SULT1A2	chr16:28603263-28608391	0	0.0670992	inf	1
XLOC_008542	CSDAP1	chr16:31579087-31580845	0	0.020526	inf	1
XLOC_008566	ZNF423	chr16:49524514-49891830	0	0.00420647	inf	1
XLOC_008636	DPEP2	chr16:68021292-68033421	0	0.0109142	inf	1
XLOC_008728	PABPN1L	chr16:88929747-88933068	0	0.0887293	inf	1
XLOC_008741	LOC100506388	chr17:62179-202633	0	0.0198382	inf	1
XLOC_008772	SMTNL2	chr17:4487275-4511614	0	0.0114323	inf	1
XLOC_008841	ALOX15B	chr17:7942357-7952451	0	0.007452	inf	1
XLOC_008871	MEIS3P1	chr17:15690163-15693019	0	0.00962548	inf	1
XLOC_009029	PPP1R1B	chr17:37783176-37792878	0	0.0122619	inf	1
XLOC_009097	CD300LG	chr17:41924515-41940997	0	0.00693752	inf	1
XLOC_009152	ABI3	chr17:47283595-47300587	0	0.0193269	inf	1
XLOC_009167	MYCBPAP	chr17:48585744-48608862	0	0.00953614	inf	1
XLOC_009192	MSX2P1	chr17:56234319-56236480	0	0.0148734	inf	1
XLOC_009194	EPX	chr17:56270088-56282535	0	0.00746696	inf	1
XLOC_009196	BZRAP1-AS1	chr17:56378587-56494931	0	0.0388312	inf	1
XLOC_009210	C17orf64	chr17:58499864-58508787	0	0.0205776	inf	1
XLOC_009215	TBX4	chr17:59533806-59561664	0	0.00660668	inf	1
XLOC_009234	MILR1	chr17:62461568-62464760	0	0.0591841	inf	1
XLOC_009253	MAP2K6	chr17:67410837-67538470	0	0.00733008	inf	1
XLOC_009263	DNAI2	chr17:72270385-72311023	0	0.00797417	inf	1
XLOC_009272	OTOP2	chr17:72920369-72930006	0	0.0105066	inf	1
XLOC_009273	OTOP3	chr17:72931896-72946087	0	0.00940891	inf	1
XLOC_009334	AATK-AS1	chr17:79008946-79156964	0	0.0278323	inf	1
XLOC_009403	TRPV3	chr17:3413795-3461289	0	0.00245595	inf	1
XLOC_009426	SLC52A1	chr17:4935896-4938727	0	0.00897596	inf	1
XLOC_009491	PIK3R5	chr17:8782232-8869029	0	0.0205751	inf	1
XLOC_009494	RCVRN	chr17:9801026-9808684	0	0.0172827	inf	1
XLOC_009504	MAGOH2	chr17:10616638-10718481	0	0.0242549	inf	1
XLOC_009505	LINC00675	chr17:10616638-10718481	0	0.0109772	inf	1
XLOC_009524	KRT16P2	chr17:16733796-16736147	0	0.0115185	inf	1
XLOC_009531	SMCR5	chr17:17584786-17740325	0	0.0057392	inf	1
XLOC_009562	NOS2	chr17:26083791-26127555	0	0.00389783	inf	1
XLOC_009601	OMG	chr17:29421944-29704695	0	0.0126308	inf	1
XLOC_009635	TBC1D3C	chr17:34581084-34592032	0	0.0356114	inf	1
XLOC_009638	TBC1D3G	chr17:34797174-34808103	0	0.00880751	inf	1
XLOC_009661	STAC2	chr17:37366788-37382040	0	0.00571981	inf	1
XLOC_009664	NEUROD2	chr17:37760020-37764175	0	0.00994793	inf	1
XLOC_009701	KRTAP4-11	chr17:39273433-39274606	0	0.0189686	inf	1
XLOC_009742	HCRT	chr17:40336077-40337470	0	0.101454	inf	1
XLOC_009763	SOST	chr17:41831098-41836156	0	0.00849081	inf	1
XLOC_009897	MARCH10	chr17:60778674-61505067	0	0.00449487	inf	1
XLOC_009914	PECAM1	chr17:62396776-62407083	0	0.00337281	inf	1
XLOC_009937	ABCA6	chr17:67074846-67138015	0	0.0022234	inf	1
XLOC_009947	SDK2	chr17:71330522-71640227	0	0.00169954	inf	1
XLOC_010011	LOC100507410	chr17:77015290-77045870	0	0.0186322	inf	1
XLOC_010140	GREB1L	chr18:18822202-19102791	0	0.0064879	inf	1
XLOC_010158	AQP4-AS1	chr18:24432007-24765302	0	0.00572014	inf	1
XLOC_010212	ST8SIA3	chr18:55019720-55036161	0	0.0011423	inf	1
XLOC_010218	ZNF532	chr18:56530060-56653709	0	0.00203098	inf	1
XLOC_010242	DOK6	chr18:67068283-67516322	0	0.00130352	inf	1
XLOC_010277	C18orf42	chr18:5143671-5197255	0	0.00540394	inf	1
XLOC_010296	MC2R	chr18:13882042-13915535	0	0.00966173	inf	1
XLOC_010315	AQP4	chr18:24432007-24765302	0	0.00214468	inf	1
XLOC_010331	ZNF396	chr18:32946660-32957301	0	0.00430899	inf	1
XLOC_010376	TCF4	chr18:52889561-53303188	0	0.00338742	inf	1
XLOC_010388	CCBE1	chr18:57098170-57364644	0	0.00646288	inf	1
XLOC_010493	CREB3L3	chr19:4153597-4173051	0	0.013054	inf	1
XLOC_010498	FSD1	chr19:4304590-4323843	0	0.023274	inf	1

XLOC_010527	EMR1	chr19:6887559-6940464	0	0.0114631	inf	1
XLOC_010543	CLEC4GP1	chr19:7852369-7855898	0	0.0109051	inf	1
XLOC_010550	CERS4	chr19:8274216-8327304	0	0.0117792	inf	1
XLOC_010754	TDRD12	chr19:33210678-33281714	0	0.0154176	inf	1
XLOC_010784	CD22	chr19:35820071-35838264	0	0.0120203	inf	1
XLOC_010844	NCCRP1	chr19:39687603-39692522	0	0.0109815	inf	1
XLOC_010892	LOC100505622	chr19:42636780-42641251	0	0.0325279	inf	1
XLOC_010907	IRGC	chr19:44220213-44224169	0	0.0198263	inf	1
XLOC_010951	FOXA3	chr19:46367517-46377055	0	0.00999393	inf	1
XLOC_010975	SNORD23	chr19:48248792-48260323	0	6.24622	inf	1
XLOC_011092	ERVV-2	chr19:53547990-53554380	0	0.00581559	inf	1
XLOC_011179	FCAR	chr19:55385548-55401839	0	0.0322264	inf	1
XLOC_011185	TMEM190	chr19:55888203-55889612	0	0.151419	inf	1
XLOC_011203	ZNF542	chr19:56879467-56891196	0	0.00354676	inf	1
XLOC_011220	ZNF304	chr19:57862644-57871265	0	0.00555101	inf	1
XLOC_011238	LOC100128398	chr19:58488440-58518574	0	0.00736207	inf	1
XLOC_011267	LPPR3	chr19:812487-821952	0	0.0196561	inf	1
XLOC_011314	RAX2	chr19:3769088-3772219	0	0.0255747	inf	1
XLOC_011344	FUT6	chr19:5830636-5839742	0	0.0135287	inf	1
XLOC_011381	FBN3	chr19:8130286-8212385	0	0.00228436	inf	1
XLOC_011393	MUC16	chr19:8959519-9092018	0	0.000296411	inf	1
XLOC_011484	PTGER1	chr19:14583277-14586174	0	0.0423285	inf	1
XLOC_011489	EMR2	chr19:14843508-14889353	0	0.0073656	inf	1
XLOC_011508	CIB3	chr19:16272178-16284286	0	0.029469	inf	1
XLOC_011528	IL12RB1	chr19:18170370-18197697	0	0.00984471	inf	1
XLOC_011548	HAPLN4	chr19:19366451-19373596	0	0.00677775	inf	1
XLOC_011549	TM6SF2	chr19:19375173-19384074	0	0.014751	inf	1
XLOC_011564	ZNF626	chr19:20802744-20844402	0	0.00186896	inf	1
XLOC_011592	SCGB2B2	chr19:35084345-35085490	0	0.0593846	inf	1
XLOC_011599	FAM187B	chr19:35715703-35719628	0	0.0365709	inf	1
XLOC_011645	RASGRP4	chr19:38893774-38916945	0	0.0152733	inf	1
XLOC_011710	CEACAM1	chr19:42901299-43156507	0	0.0164289	inf	1
XLOC_011711	CEACAM8	chr19:42901299-43156507	0	0.0178914	inf	1
XLOC_011712	PSG3	chr19:43225793-43244668	0	0.00711283	inf	1
XLOC_011715	PSG1	chr19:43370612-43383871	0	0.00577078	inf	1
XLOC_011719	PSG2	chr19:43568361-43586893	0	0.00856193	inf	1
XLOC_011721	PSG4	chr19:43696853-43709926	0	0.00672918	inf	1
XLOC_011744	CEACAM20	chr19:45010210-45033548	0	0.0112929	inf	1
XLOC_011780	PTGIR	chr19:47123724-47128354	0	0.0126401	inf	1
XLOC_011831	KCNA7	chr19:49570674-49576198	0	0.00399132	inf	1
XLOC_011837	PTH2	chr19:49925670-49926698	0	0.215637	inf	1
XLOC_011865	KCNC3	chr19:50818764-50832634	0	0.0108884	inf	1
XLOC_011881	KLK4	chr19:51409607-51413994	0	0.0162701	inf	1
XLOC_011885	KLK8	chr19:51499263-51504958	0	0.0174345	inf	1
XLOC_011905	SIGLEC14	chr19:52145805-52150132	0	0.025649	inf	1
XLOC_011906	HAS1	chr19:52216364-52227221	0	0.0318053	inf	1
XLOC_011929	ZNF677	chr19:53738637-53758111	0	0.00299206	inf	1
XLOC_011935	VSTM1	chr19:54544079-54567207	0	0.017768	inf	1
XLOC_011947	LILRA5	chr19:54818352-54824409	0	0.0141457	inf	1
XLOC_011960	SYT5	chr19:55684468-55691720	0	0.0137847	inf	1
XLOC_011965	TMEM150B	chr19:55824226-55836708	0	0.0600036	inf	1
XLOC_011973	SBK2	chr19:56041099-56048435	0	0.0405134	inf	1
XLOC_011982	ZSCAN5B	chr19:56701057-56704421	0	0.0196145	inf	1
XLOC_011985	ZNF667	chr19:56950692-56988770	0	0.0125816	inf	1
XLOC_012002	C1orf18	chr19:58469804-58485902	0	0.0168862	inf	1
XLOC_012026	SNTG2	chr2:946553-1371384	0	0.0290831	inf	1
XLOC_012037	RSAD2	chr2:7017795-7038363	0	0.0103922	inf	1
XLOC_012039	LOC100506274	chr2:7561391-7590381	0	0.0298338	inf	1
XLOC_012072	MFSDB2B	chr2:24232952-24247145	0	0.0154459	inf	1
XLOC_012095	ABHD1	chr2:27346656-27357542	0	0.0541429	inf	1
XLOC_012100	TRIM54	chr2:27505296-27531130	0	0.0113148	inf	1
XLOC_012120	FAM179A	chr2:29204163-29275096	0	0.00611036	inf	1
XLOC_012142	QPCT	chr2:37571752-37600465	0	0.0085025	inf	1
XLOC_012161	SLC3A1	chr2:44502596-44589001	0	0.00577858	inf	1
XLOC_012173	EPCAM	chr2:47596286-47614167	0	0.0079234	inf	1
XLOC_012216	PLEK	chr2:68592321-68624585	0	0.00897691	inf	1
XLOC_012244	C2orf78	chr2:74011315-74044274	0	0.00898769	inf	1
XLOC_012288	ANAPC1P1	chr2:87042459-87122165	0	0.0147225	inf	1
XLOC_012292	PLGLB2	chr2:88047605-88285309	0	0.00833652	inf	1
XLOC_012341	IL1RL1	chr2:102927961-102968497	0	0.0050236	inf	1
XLOC_012343	IL18RAP	chr2:103035253-103069027	0	0.00473082	inf	1
XLOC_012359	SULT1C2	chr2:108905094-108926377	0	0.00422663	inf	1
XLOC_012361	SULT1C4	chr2:108994420-109004271	0	0.00739795	inf	1
XLOC_012369	LIMS3L	chr2:110656008-110726145	0	0.0243257	inf	1
XLOC_012377	FBLN7	chr2:112895961-112945797	0	0.0107088	inf	1
XLOC_012443	GPR39	chr2:133174146-133429071	0	0.00681199	inf	1
XLOC_012452	LOC100507600	chr2:136545414-136594751	0	0.00635541	inf	1
XLOC_012485	TBR1	chr2:162272619-162281577	0	0.0076897	inf	1
XLOC_012490	LOC100506134	chr2:166729871-166810348	0	0.0456506	inf	1

XLOC_012575	SATB2-AS1	chr2:200134222-20033748	0	0.00539458	inf	1
XLOC_012614	CPO	chr2:207804277-20783419	0	0.0431527	inf	1
XLOC_012622	UNC80	chr2:210636716-21086402	0	0.000942125	inf	1
XLOC_012661	TUBA4B	chr2:220110191-22013691	0	0.0126797	inf	1
XLOC_012764	FAM150B	chr2:279560-288308	0	0.0152403	inf	1
XLOC_012767	PXDN	chr2:1635658-1748291	0	0.00259413	inf	1
XLOC_012803	OSR1	chr2:19551245-19558372	0	0.0144321	inf	1
XLOC_012831	OTOF	chr2:26680070-26781566	0	0.00430015	inf	1
XLOC_012864	MYADML	chr2:33951127-33953284	0	0.0109676	inf	1
XLOC_012879	LOC375196	chr2:39146503-39202590	0	0.0322597	inf	1
XLOC_012903	C2orf61	chr2:47314129-47382517	0	0.0190967	inf	1
XLOC_012927	FLJ16341	chr2:61074894-61108449	0	0.00942917	inf	1
XLOC_012929	LOC339803	chr2:61368726-61372110	0	0.0111154	inf	1
XLOC_012959	SNORA36C	chr2:69685126-69870977	0	2.05969	inf	1
XLOC_013038	LOC442028	chr2:95534429-95613087	0	0.00478856	inf	1
XLOC_013043	ADRA2B	chr2:96778622-96781888	0	0.00643747	inf	1
XLOC_013118	LOC100499194	chr2:114735245-11476488	0	0.035997	inf	1
XLOC_013121	EN1	chr2:119599746-11960575	0	0.0108844	inf	1
XLOC_013124	SCTR	chr2:120197418-1202820	0	0.0112695	inf	1
XLOC_013144	LOC440905	chr2:130783571-13080870	0	0.00257058	inf	1
XLOC_013161	LYPD1	chr2:133174146-13342907	0	0.0769708	inf	1
XLOC_013187	LOC100144595	chr2:154728425-15531395	0	0.00561205	inf	1
XLOC_013207	FIGN	chr2:164464117-16459251	0	0.00281178	inf	1
XLOC_013223	LRP2	chr2:169983618-17021912	0	0.000796498	inf	1
XLOC_013349	LINC00607	chr2:216476285-21670825	0	0.00368004	inf	1
XLOC_013386	EPHA4	chr2:222282746-22243701	0	0.00204176	inf	1
XLOC_013459	KIF1A	chr2:241653180-24175972	0	0.00477494	inf	1
XLOC_013460	C2orf54	chr2:241825464-24183557	0	0.00952431	inf	1
XLOC_013488	TGM3	chr20:2276612-2321725	0	0.00603334	inf	1
XLOC_013503	UBOX5-AS1	chr20:3087556-3140556	0	0.0184853	inf	1
XLOC_013531	SPTLC3	chr20:12989626-13147411	0	0.00329588	inf	1
XLOC_013539	BANF2	chr20:17674319-17716517	0	0.0668634	inf	1
XLOC_013558	PAX1	chr20:21686296-21699124	0	0.00646863	inf	1
XLOC_013640	NNAT	chr20:36145818-36156333	0	0.0379721	inf	1
XLOC_013697	SLC12A5	chr20:44650328-44688789	0	0.00316077	inf	1
XLOC_013722	TSHZ2	chr20:51588945-52111869	0	0.00111207	inf	1
XLOC_013783	C20orf195	chr20:62184372-62188035	0	0.0510469	inf	1
XLOC_013824	CPXM1	chr20:2774714-2781292	0	0.00953919	inf	1
XLOC_013834	SIGLEC1	chr20:3667616-3687775	0	0.00877202	inf	1
XLOC_013864	FLRT3	chr20:13976145-16033841	0	0.00292293	inf	1
XLOC_013882	LINC00261	chr20:22541191-22559280	0	0.00249488	inf	1
XLOC_013936	GGT7	chr20:33432522-33460661	0	0.0080827	inf	1
XLOC_013942	FAM83C	chr20:33873533-33880225	0	0.00538001	inf	1
XLOC_013944	GDF5	chr20:34021148-34026027	0	0.0169006	inf	1
XLOC_013970	MAFB	chr20:39314516-39317876	0	0.00674491	inf	1
XLOC_014045	CTCFL	chr20:56071020-56100708	0	0.00869566	inf	1
XLOC_014052	GNAS-AS1	chr20:57393972-57486250	0	0.0190052	inf	1
XLOC_014061	HRH3	chr20:60790016-60795323	0	0.0110234	inf	1
XLOC_014075	NKAIN4	chr20:61872135-61892967	0	0.015985	inf	1
XLOC_014100	ABCC13	chr21:15646119-15673692	0	0.00436305	inf	1
XLOC_014109	CHODL	chr21:19289656-19639687	0	0.00569133	inf	1
XLOC_014165	DSCR6	chr21:38378862-38391958	0	0.0161714	inf	1
XLOC_014187	ZNF295-AS1	chr21:43442112-43445060	0	0.0422672	inf	1
XLOC_014188	UMODL1	chr21:43483067-43563105	0	0.00361213	inf	1
XLOC_014249	LINC00158	chr21:26758132-26804013	0	0.00830282	inf	1
XLOC_014254	CYYR1	chr21:27838527-27945581	0	0.00431276	inf	1
XLOC_014291	TIAM1	chr21:32490735-32931290	0	0.00889789	inf	1
XLOC_014351	CBS	chr21:44473300-44496472	0	0.00922308	inf	1
XLOC_014384	FTCD	chr21:47556175-47575481	0	0.0147073	inf	1
XLOC_014385	SPATC1L	chr21:47581061-47604373	0	0.0594632	inf	1
XLOC_014406	DGCR10	chr22:19010136-19011063	0	0.0179176	inf	1
XLOC_014501	HORMAD2	chr22:30476452-30573062	0	0.0064838	inf	1
XLOC_014519	SLC5A1	chr22:32439018-32509011	0	0.00267296	inf	1
XLOC_014541	CYTH4	chr22:37678494-37711389	0	0.0115189	inf	1
XLOC_014567	APOBEC3H	chr22:39493228-39500072	0	0.0349889	inf	1
XLOC_014580	MCHR1	chr22:41075181-41078818	0	0.00820751	inf	1
XLOC_014598	WBP2NL	chr22:42394728-42424477	0	0.0109649	inf	1
XLOC_014620	FBLN1	chr22:45898718-45997014	0	0.0101987	inf	1
XLOC_014634	FAM19A5	chr22:48885287-49147744	0	0.0180373	inf	1
XLOC_014656	CCT8L2	chr22:17071647-17073700	0	0.00863862	inf	1
XLOC_014696	TUBA3FP	chr22:21354060-21368576	0	0.00928849	inf	1
XLOC_014731	PIWIL3	chr22:25115000-25170687	0	0.00338636	inf	1
XLOC_014833	PDGFB	chr22:39619684-39640957	0	0.00779687	inf	1
XLOC_014836	SNORD83A	chr22:39708886-39715670	0	26.0083	inf	1
XLOC_014900	MLC1	chr22:50497819-50524358	0	0.00565608	inf	1
XLOC_014957	FBLN2	chr3:13590624-13679922	0	0.0051719	inf	1
XLOC_015052	FAM198A	chr3:43020758-43099207	0	0.00507798	inf	1
XLOC_015080	TDGF1	chr3:46616044-46623952	0	0.00839084	inf	1
XLOC_015085	NRADDP	chr3:47053031-47054957	0	0.112123	inf	1

XLOC_015102	CCDC36	chr3:49235860-49295537	0	0.00962374	inf	1
XLOC_015132	GPR62	chr3:51989329-52001482	0	0.0372207	inf	1
XLOC_015181	FAM19A1	chr3:68040733-68594771	0	0.00798193	inf	1
XLOC_015222	TMEM30C	chr3:99904667-99913030	0	0.124495	inf	1
XLOC_015240	CCDC54	chr3:107096187-10709748	0	0.00946501	inf	1
XLOC_015257	CD200	chr3:112051915-112081658	0	0.00630211	inf	1
XLOC_015260	BOC	chr3:112931374-11316036	0	0.00442814	inf	1
XLOC_015274	UPK1B	chr3:118892424-11892400	0	0.00685304	inf	1
XLOC_015285	ARGFX	chr3:121286777-121309468	0	0.00479774	inf	1
XLOC_015308	CCDC37	chr3:126113781-126155398	0	0.0173131	inf	1
XLOC_015333	ALG1L2	chr3:129800673-129830278	0	0.0212331	inf	1
XLOC_015353	EPHB1	chr3:134514098-134979307	0	0.00653489	inf	1
XLOC_015403	LOC201651	chr3:151347319-151546278	0	0.00951955	inf	1
XLOC_015418	C3orf55	chr3:157261132-15731902	0	0.017833	inf	1
XLOC_015420	MLF1	chr3:158288952-158324248	0	0.0111392	inf	1
XLOC_015496	FETUB	chr3:186358148-186370797	0	0.00972959	inf	1
XLOC_015551	BHLHE40-AS1	chr3:4939913-4948186	0	0.0636293	inf	1
XLOC_015563	CIDEC	chr3:9908393-9921938	0	0.0169337	inf	1
XLOC_015630	EPM2AIP1	chr3:37027356-37034795	0	0.00326988	inf	1
XLOC_015640	XIRP1	chr3:39224705-39234085	0	0.00272732	inf	1
XLOC_015665	XCR1	chr3:46062290-46068979	0	0.0182247	inf	1
XLOC_015743	IQCF5	chr3:51907736-51909600	0	0.158712	inf	1
XLOC_015744	IQCF1	chr3:51928891-51937386	0	0.0576314	inf	1
XLOC_015820	PDZRN3	chr3:73431651-73674072	0	0.00454522	inf	1
XLOC_015826	LOC440970	chr3:84687555-84918726	0	0.0014644	inf	1
XLOC_015872	CD200R1	chr3:112641531-112693937	0	0.00507197	inf	1
XLOC_015880	ZNF80	chr3:113953479-113956428	0	0.00456014	inf	1
XLOC_015885	IGSF11	chr3:118619478-118864898	0	0.012016	inf	1
XLOC_015888	CD80	chr3:119243139-11927848	0	0.0043923	inf	1
XLOC_015924	ALDH1L1	chr3:125822403-12592901	0	0.00674133	inf	1
XLOC_015934	GATA2	chr3:128198264-12821203	0	0.0132024	inf	1
XLOC_016005	FAM194A	chr3:150377674-15042174	0	0.00636942	inf	1
XLOC_016010	GPR87	chr3:150804675-151176497	0	0.0353768	inf	1
XLOC_016117	FGF12	chr3:191857181-192445388	0	0.00208334	inf	1
XLOC_016136	MUC4	chr3:195473637-19553884	0	0.00528056	inf	1
XLOC_016197	C4orf6	chr4:5526882-5529527	0	0.0354236	inf	1
XLOC_016204	S100P	chr4:6695565-6698897	0	0.0808772	inf	1
XLOC_016241	DRD5	chr4:9783257-9785633	0	0.0101679	inf	1
XLOC_016262	LOC285540	chr4:25162293-25200127	0	0.0128861	inf	1
XLOC_016275	C4orf19	chr4:37455551-37687999	0	0.00335747	inf	1
XLOC_016292	NSUN7	chr4:40751913-40812002	0	0.00721128	inf	1
XLOC_016299	GRXCR1	chr4:42895282-43032675	0	0.0155957	inf	1
XLOC_016320	PDGFRA	chr4:55095263-55164412	0	0.00382646	inf	1
XLOC_016337	STAP1	chr4:68424445-68472616	0	0.0221885	inf	1
XLOC_016367	SLC4A4	chr4:72053002-72437804	0	0.00150679	inf	1
XLOC_016415	PTPN13	chr4:87515467-87736328	0	0.00565918	inf	1
XLOC_016419	DMP1	chr4:88571453-88585512	0	0.00432636	inf	1
XLOC_016454	NPNT	chr4:106816596-10689282	0	0.00284386	inf	1
XLOC_016520	GUSBP5	chr4:144480624-14448261	0	0.0128813	inf	1
XLOC_016544	FGB	chr4:155484131-15549391	0	0.00336686	inf	1
XLOC_016545	LRAT	chr4:155665162-15567427	0	0.00250412	inf	1
XLOC_016550	TDO2	chr4:156824844-156841558	0	0.00706608	inf	1
XLOC_016716	LOC344967	chr4:40044536-40159872	0	0.0141293	inf	1
XLOC_016771	UGT2B17	chr4:69402902-69434245	0	0.00578023	inf	1
XLOC_016781	IGJ	chr4:71521257-71532348	0	0.00893954	inf	1
XLOC_016833	SLC10A6	chr4:87744620-87770416	0	0.0200073	inf	1
XLOC_016865	DDIT4L	chr4:101107026-101111658	0	0.00457046	inf	1
XLOC_016956	TTC29	chr4:147628178-14786703	0	0.00747422	inf	1
XLOC_016966	ANXA2P1	chr4:154074269-15426047	0	0.0201487	inf	1
XLOC_017017	CLDN24	chr4:184242916-18424357	0	0.0259988	inf	1
XLOC_017027	LOC731424	chr4:185764449-18576820	0	0.0040594	inf	1
XLOC_017035	SORBS2	chr4:186506597-18687787	0	0.00317025	inf	1
XLOC_017092	CDH6	chr5:31193761-31329253	0	0.00133043	inf	1
XLOC_017111	OSMR	chr5:38845959-38935743	0	0.00218104	inf	1
XLOC_017114	C7	chr5:40909598-40983042	0	0.0100139	inf	1
XLOC_017117	GHR	chr5:42423876-42721980	0	0.00268154	inf	1
XLOC_017225	VCAN	chr5:82767492-82878122	0	0.00116465	inf	1
XLOC_017232	GPR98	chr5:89854616-90460033	0	0.000600662	inf	1
XLOC_017242	C5orf27	chr5:95187935-95195836	0	0.00793687	inf	1
XLOC_017270	KCNN2	chr5:113698015-113832197	0	0.00930008	inf	1
XLOC_017293	C5orf48	chr5:125967413-12597197	0	0.0450199	inf	1
XLOC_017374	PCDHB17	chr5:140535579-14053799	0	0.0178512	inf	1
XLOC_017389	LOC100505658	chr5:140894587-140998622	0	0.014205	inf	1
XLOC_017417	MIR143,MIR143HG,MIR145	chr5:148786439-148812398	0	0.00318171	inf	1
XLOC_017489	LOC285593	chr5:173006645-173012078	0	0.0082673	inf	1
XLOC_017499	LOC100507387	chr5:175546551-175552168	0	0.0361621	inf	1
XLOC_017501	ARL10	chr5:175792501-17580050	0	0.00705667	inf	1
XLOC_017573	LOC729506	chr5:8333595-8457677	0	0.00831312	inf	1
XLOC_017574	SEMA5A	chr5:9035137-9546233	0	0.00112733	inf	1

XLOC_017589	LOC285696	chr5:17130136-17276954	0	0.00506332	inf	1
XLOC_017602	SLC45A2	chr5:33944720-33984780	0	0.0100487	inf	1
XLOC_017652	CDC20B	chr5:54408798-54469005	0	0.015377	inf	1
XLOC_017667	PLK2	chr5:57749809-57755966	0	0.0143035	inf	1
XLOC_017755	ST8SIA4	chr5:100142638-100238987	0	0.00182495	inf	1
XLOC_017820	NEUROG1	chr5:134869971-134871638	0	0.0184996	inf	1
XLOC_017821	CXCL14	chr5:134906370-134914968	0	0.0100329	inf	1
XLOC_017827	LOC389332	chr5:135527155-135528857	0	0.0457799	inf	1
XLOC_017829	SPOCK1	chr5:136310986-136835018	0	0.00265919	inf	1
XLOC_017849	ECSCR	chr5:138784244-138842320	0	0.0237978	inf	1
XLOC_017879	GPR151	chr5:145894416-145895678	0	0.0128671	inf	1
XLOC_017882	DPYSL3	chr5:146770370-146889618	0	0.00562135	inf	1
XLOC_017883	JAKMIP2	chr5:146939556-147162417	0	0.00127383	inf	1
XLOC_017901	ZNF300P1	chr5:150309997-150326148	0	0.00473096	inf	1
XLOC_017918	TIMD4	chr5:156346292-156390268	0	0.0103313	inf	1
XLOC_017919	HAVCR1	chr5:156456530-156485970	0	0.00930055	inf	1
XLOC_017924	ADAM19	chr5:156904311-157002783	0	0.0025229	inf	1
XLOC_017947	KCNMB1	chr5:169780880-170163638	0	0.0242355	inf	1
XLOC_017986	GMCL1P1	chr5:177611510-177614433	0	0.00436323	inf	1
XLOC_017995	C5orf60	chr5:179068557-179072047	0	0.0160126	inf	1
XLOC_018003	RASGEF1C	chr5:179527794-179636130	0	0.0100821	inf	1
XLOC_018023	FOXC1	chr6:1610680-1614129	0	0.00580494	inf	1
XLOC_018042	BMP6	chr6:7727010-8102828	0	0.00508287	inf	1
XLOC_018166	TRIM40	chr6:30104509-30116512	0	0.0155126	inf	1
XLOC_018182	DPCR1	chr6:30908776-30921998	0	0.00230805	inf	1
XLOC_018190	HCP5	chr6:31430956-31433586	0	0.0475967	inf	1
XLOC_018197	LST1	chr6:31553955-31560762	0	0.0382188	inf	1
XLOC_018205	LY6G6D	chr6:31683132-31685581	0	0.0687874	inf	1
XLOC_018206	C6orf25	chr6:31691120-31694485	0	0.0169273	inf	1
XLOC_018266	PNPLA1	chr6:36210944-36276372	0	0.0122327	inf	1
XLOC_018296	GUCA1A	chr6:42123143-42147794	0	0.0100042	inf	1
XLOC_018323	CAPN11	chr6:44126547-44152139	0	0.00601276	inf	1
XLOC_018337	GPR111	chr6:47624325-47665533	0	0.00247874	inf	1
XLOC_018358	FAM83B	chr6:54711568-54809897	0	0.00358506	inf	1
XLOC_018371	COL19A1	chr6:70576447-70922157	0	0.00136267	inf	1
XLOC_018415	TSG1	chr6:94416800-94486199	0	0.00223125	inf	1
XLOC_018424	PRDM13	chr6:100054649-100063454	0	0.00847128	inf	1
XLOC_018484	HEY2	chr6:126070731-126082418	0	0.00573573	inf	1
XLOC_018592	QKI	chr6:163835674-163999628	0	0.00126485	inf	1
XLOC_018614	MYLK4	chr6:2663862-2751154	0	0.0047084	inf	1
XLOC_018640	LINC00518	chr6:10428017-10435055	0	0.00395985	inf	1
XLOC_018674	HIST1H1A	chr6:26017259-26018040	0	0.0300641	inf	1
XLOC_018680	HIST1H1T	chr6:26107639-26108364	0	0.0278054	inf	1
XLOC_018704	HIST1H3I	chr6:27839622-27840099	0	0.0908536	inf	1
XLOC_018720	OR2B3	chr6:29053984-29055090	0	0.0134762	inf	1
XLOC_018759	LTB	chr6:31548335-31550202	0	0.0772017	inf	1
XLOC_018806	HLA-DPA1	chr6:33032345-33057473	0	0.00820441	inf	1
XLOC_018931	GCM1	chr6:52991759-53013624	0	0.00539371	inf	1
XLOC_018944	LGSN	chr6:63985855-64029882	0	0.00211615	inf	1
XLOC_018965	IMPG1	chr6:76631061-76782335	0	0.0039097	inf	1
XLOC_018991	SRSF12	chr6:89805677-89827800	0	0.0171133	inf	1
XLOC_018995	RRAGD	chr6:90074334-90121995	0	0.0024814	inf	1
XLOC_019139	RAET1E	chr6:150139893-150244214	0	0.00649676	inf	1
XLOC_019150	IPCEF1	chr6:154331630-154677900	0	0.00182313	inf	1
XLOC_020333	CYP2W1	chr7:1022834-1029276	0	0.0137863	inf	1
XLOC_020348	SDK1	chr7:3341079-4308631	0	0.00187215	inf	1
XLOC_020387	RPL23P8	chr7:20866916-20867439	0	0.0674306	inf	1
XLOC_020397	RPS2P32	chr7:23530006-23531031	0	0.0255034	inf	1
XLOC_020439	BMPER	chr7:33944522-34195484	0	0.00541181	inf	1
XLOC_020482	ABCA13	chr7:48211056-48687091	0	0.00141816	inf	1
XLOC_020536	NCF1B	chr7:72634673-72649979	0	0.0165247	inf	1
XLOC_020589	RUNDC3B	chr7:87133178-87461613	0	0.00311242	inf	1
XLOC_020719	PTPRZ1	chr7:121513158-121702090	0	0.00213173	inf	1
XLOC_020722	LMOD2	chr7:123295860-123304147	0	0.01246	inf	1
XLOC_020727	FSCN3	chr7:127233688-127241857	0	0.0372019	inf	1
XLOC_020745	LOC407835	chr7:128766324-128768050	0	0.0154919	inf	1
XLOC_020786	RAB19	chr7:140103842-140126050	0	0.0183563	inf	1
XLOC_020811	CLCN1	chr7:143013218-143049097	0	0.00581415	inf	1
XLOC_020827	OR2A20P,OR2A9P	chr7:143996465-143997598	0	0.0217904	inf	1
XLOC_020831	CNTNAP2	chr7:145813452-148118088	0	0.00127457	inf	1
XLOC_020874	DPP6	chr7:153584418-154685998	0	0.00374624	inf	1
XLOC_020940	MEOX2	chr7:15650836-15726308	0	0.00631869	inf	1
XLOC_020996	CRHR2	chr7:30691558-30739719	0	0.0134863	inf	1
XLOC_020999	LOC100130673	chr7:32496509-32498106	0	0.00899267	inf	1
XLOC_021009	DPY19L2P1	chr7:35120898-35225774	0	0.00448855	inf	1
XLOC_021015	ELMO1	chr7:36892510-37488895	0	0.004096	inf	1
XLOC_021067	EGFR-AS1	chr7:55086724-55275031	0	0.00559851	inf	1
XLOC_021102	TRIM50	chr7:72726534-72742085	0	0.0125963	inf	1
XLOC_021116	NCF1C	chr7:74572383-74587816	0	0.0557057	inf	1

XLOC_021276	ST7-AS2	chr7:116592500-116870075	0	0.0321443	inf	1
XLOC_021332	FAM180A	chr7:135414345-135433594	0	0.0093188	inf	1
XLOC_021374	OR2A1	chr7:143929003-143929936	0	0.0250621	inf	1
XLOC_021394	TMEM176B	chr7:150488375-150502208	0	0.016716	inf	1
XLOC_021404	WDR86	chr7:151078206-151110132	0	0.0199923	inf	1
XLOC_021405	CRYGN	chr7:151127055-151137095	0	0.0339209	inf	1
XLOC_021428	ERICH1-AS1	chr8:687586-1087777	0	0.0305459	inf	1
XLOC_021444	FAM90A10P	chr8:7627105-7628835	0	0.043295	inf	1
XLOC_021472	FAM66D	chr8:11973290-12008698	0	0.0194551	inf	1
XLOC_021501	PIWIL2	chr8:22132809-22213584	0	0.00774507	inf	1
XLOC_021516	ADAM28	chr8:24151579-24212726	0	0.00326256	inf	1
XLOC_021545	UNC5D	chr8:35092974-35652181	0	0.00174551	inf	1
XLOC_021616	TRIM55	chr8:67039277-67087718	0	0.0148152	inf	1
XLOC_021667	LINC00534	chr8:91233715-91400187	0	0.02177	inf	1
XLOC_021699	NACAP1	chr8:102381120-102381823	0	0.0662752	inf	1
XLOC_021700	GRHL2	chr8:102504667-102681952	0	0.00278665	inf	1
XLOC_021711	ZFPM2	chr8:106331146-106816763	0	0.00867674	inf	1
XLOC_021729	COL14A1	chr8:121137346-121384273	0	0.00184171	inf	1
XLOC_021767	LINC00051	chr8:143279716-143290364	0	0.0142842	inf	1
XLOC_021797	FAM203A	chr8:145437879-145440828	0	0.0113174	inf	1
XLOC_021884	SGCZ	chr8:13947372-15095792	0	0.00639423	inf	1
XLOC_021886	MSR1	chr8:15965386-16050300	0	0.00762811	inf	1
XLOC_021897	LZTS1	chr8:20103675-20112803	0	0.00787989	inf	1
XLOC_021903	LGI3	chr8:22004342-22014344	0	0.00741831	inf	1
XLOC_021924	STMN4	chr8:27093813-27115903	0	0.0126192	inf	1
XLOC_021926	CHRNA2	chr8:27317277-27336813	0	0.00449459	inf	1
XLOC_021965	C8orf86	chr8:38368351-38386180	0	0.0127167	inf	1
XLOC_021966	RNF5P1	chr8:38457692-38458775	0	0.0183403	inf	1
XLOC_021971	SFRP1	chr8:41119475-41166990	0	0.00359462	inf	1
XLOC_021985	SNAI2	chr8:49830238-49833999	0	0.00686929	inf	1
XLOC_022264	VLDLR	chr9:2535654-2654485	0	0.00385114	inf	1
XLOC_022307	TEK	chr9:27109146-27230172	0	0.00263391	inf	1
XLOC_022316	ANKRD18B	chr9:33524410-33573001	0	0.0030239	inf	1
XLOC_022344	RECK	chr9:36036909-36124452	0	0.00875124	inf	1
XLOC_022372	FAM27A	chr9:45727028-45728283	0	0.0332326	inf	1
XLOC_022379	LOC100133920	chr9:69651360-69664949	0	0.0146676	inf	1
XLOC_022387	FAM189A2	chr9:71939487-72007370	0	0.00853312	inf	1
XLOC_022389	MAMDC2	chr9:72658496-72873790	0	0.00387338	inf	1
XLOC_022514	BSPRY	chr9:116111811-116133513	0	0.00771471	inf	1
XLOC_022564	LMX1B	chr9:129376721-129463311	0	0.00342945	inf	1
XLOC_022574	TTC16	chr9:130478357-130497628	0	0.0203249	inf	1
XLOC_022598	PHYHD1	chr9:131683173-131704326	0	0.130134	inf	1
XLOC_022667	LOC100128593	chr9:139638468-139644363	0	0.0090668	inf	1
XLOC_022689	RNF224	chr9:140122017-140124096	0	0.0160931	inf	1
XLOC_022709	FLJ35024	chr9:2535654-2654485	0	0.0218052	inf	1
XLOC_022733	C9orf92	chr9:16203932-16276311	0	0.0589912	inf	1
XLOC_022744	PTPLAD2	chr9:21006364-21031635	0	0.00893342	inf	1
XLOC_022845	LOC653501_ZNF658B	chr9:39443813-39464526	0	0.00260164	inf	1
XLOC_022876	LOC100507244	chr9:72658496-72873790	0	0.00816117	inf	1
XLOC_022914	LOC392364	chr9:90472957-90473971	0	0.0190008	inf	1
XLOC_022936	ASP1	chr9:95059639-95432547	0	0.00485708	inf	1
XLOC_023232	PLCXD1	chrX:192990-220022	0	0.0108151	inf	1
XLOC_023254	LOC100288814	chrX:9935397-9936042	0	0.0625937	inf	1
XLOC_023277	GRPR	chrX:16141423-16171641	0	0.0210332	inf	1
XLOC_023296	PTCHD1	chrX:23352984-23414918	0	0.00244327	inf	1
XLOC_023333	MPC1L	chrX:40482817-40483388	0	0.144887	inf	1
XLOC_023347	RGN	chrX:46937774-46952712	0	0.00952976	inf	1
XLOC_023385	GAGE12D,GAGE12F,GAGE	chrX:49188093-49313710	0	0.0381156	inf	1
XLOC_023425	TRO	chrX:54946995-54957866	0	0.0174083	inf	1
XLOC_023450	OTUD6A	chrX:69282340-69284029	0	0.0421655	inf	1
XLOC_023515	TMEM35	chrX:100333835-100351351	0	0.0142116	inf	1
XLOC_023522	TCEAL2	chrX:101380659-101382688	0	0.0112878	inf	1
XLOC_023591	SOWAHD	chrX:118892575-118894161	0	0.1029	inf	1
XLOC_023593	AKAP14	chrX:119029935-119054671	0	0.0817343	inf	1
XLOC_023659	FMR1NB	chrX:147062848-147108181	0	0.0350116	inf	1
XLOC_023679	MAGEA4	chrX:151081360-151093643	0	0.00947064	inf	1
XLOC_023693	DUSP9	chrX:152907896-152916781	0	0.0126009	inf	1
XLOC_023699	AVPR2	chrX:153167984-153172621	0	0.0283831	inf	1
XLOC_023768	ACE2	chrX:15579155-15620192	0	0.00309275	inf	1
XLOC_023798	PCYT1B	chrX:24576203-24690979	0	0.0026506	inf	1
XLOC_023838	SSX5	chrX:48045655-48056199	0	0.0112365	inf	1
XLOC_023862	SHROOM4	chrX:50334642-50557044	0	0.0025742	inf	1
XLOC_023886	WNK3	chrX:54219255-54384438	0	0.00196467	inf	1
XLOC_023888	ITIH6	chrX:54775331-54824673	0	0.00575239	inf	1
XLOC_023895	UQCRBP1	chrX:56755717-56844004	0	0.031518	inf	1
XLOC_023917	TEX11	chrX:69748789-70128567	0	0.00378203	inf	1
XLOC_023924	INGX	chrX:70430034-70948962	0	0.0738012	inf	1
XLOC_023925	CXCR3	chrX:70430034-70948962	0	0.036606	inf	1
XLOC_023966	POF1B	chrX:84532394-84634748	0	0.00262688	inf	1

XLOC_023992	TCEAL5	chrX:102528617-10253179	0	0.0114823	inf	1
XLOC_024012	COL4A6	chrX:107398836-10768270	0	0.00217867	inf	1
XLOC_024019	CHRD1	chrX:109917083-110039281	0	0.00331594	inf	1
XLOC_024066	SMARCA1	chrX:128580477-128657461	0	0.00296569	inf	1
XLOC_024115	FGF13	chrX:137713733-138287181	0	0.0248987	inf	1
XLOC_024198	FAM223B	chrX:153860738-153861441	0	0.108164	inf	1
XLOC_024206	RAB39B	chrX:154487525-154493851	0	0.00359079	inf	1
XLOC_024210	F8A1	chrX:154686574-154688271	0	0.0207657	inf	1
XLOC_024213	PLCXD1	chrY:142990-170022	0	0.0108151	inf	1
XLOC_024305	UTY	chrY:15360258-15592550	0	0.0019891	inf	1
XLOC_010629	MIR181D	chr19:13985688-13985825	3.70119	0	#NAME?	0.284036
XLOC_000510	SNORD21	chr1:93297593-93427079	45.1893	0	#NAME?	0.378228
XLOC_010362	SNORD58C	chr18:47007547-47018935	88.0913	0	#NAME?	0.385425
XLOC_003718	SNORD15A	chr11:75110534-75133345	2.8545	0	#NAME?	0.454989
XLOC_002161	MIR29C	chr1:207975196-207975284	52.938	0	#NAME?	0.462141
XLOC_021905	MIR320A	chr8:22102474-22102556	126.511	0	#NAME?	0.470983
XLOC_018017	SNORD95	chr5:180663927-180670901	728.195	0	#NAME?	0.479014
XLOC_011026	SNORD35A	chr19:49990810-49995564	63.0998	0	#NAME?	0.489264
XLOC_018983	SNORD50A	chr6:86386724-86388451	174.033	0	#NAME?	0.540783
XLOC_008600	SNORA50	chr16:58549382-58663790	3.57422	0	#NAME?	0.55302
XLOC_020548	MIR590	chr7:73588705-73611429	21.6684	0	#NAME?	0.580082
XLOC_009918	MIR5047	chr17:62494373-62502484	18.4336	0	#NAME?	0.580412
XLOC_021051	SNORA5C	chr7:45139698-45151346	2.87594	0	#NAME?	0.610107
XLOC_002047	SCARNA3	chr1:175913966-176176371	4.47687	0	#NAME?	0.610406
XLOC_008599	SNORA46	chr16:58549382-58663790	3.53153	0	#NAME?	0.631812
XLOC_004280	SNORD29	chr11:62619459-62623360	634.992	0	#NAME?	0.637148
XLOC_021052	SNORA5B	chr7:45139698-45151346	5.14075	0	#NAME?	0.651901
XLOC_013492	SNORD110	chr20:2633177-2639039	207.275	0	#NAME?	0.652768
XLOC_020517	SNORA22	chr7:65111923-65235797	3.62949	0	#NAME?	0.663172
XLOC_011318	MIR637	chr19:3958451-3969826	19.7707	0	#NAME?	0.664776
XLOC_008061	MIR762	chr16:30899115-30905399	110.276	0	#NAME?	0.66806
XLOC_023718	SNORA36A	chrX:153991030-15400596	1.95901	0	#NAME?	1
XLOC_001397	SNORA44	chr1:28879528-28908366	2.38539	0	#NAME?	1
XLOC_021050	SNORA5A	chr7:45139698-45151346	1.90964	0	#NAME?	1
XLOC_000003	LOC100132062,LOC100133	chr1:323891-328581	0.00643206	0	#NAME?	1
XLOC_000073	RBP7	chr1:10057254-10076078	0.0300777	0	#NAME?	1
XLOC_000175	MDS2	chr1:23953823-23967056	0.0421645	0	#NAME?	1
XLOC_000204	CD52	chr1:26608772-26647014	0.0543287	0	#NAME?	1
XLOC_000272	GJB5	chr1:35220647-35224113	0.0153529	0	#NAME?	1
XLOC_000274	GJB3	chr1:35246789-35251967	0.0383258	0	#NAME?	1
XLOC_000395	GPX7	chr1:53068042-53074723	0.0292892	0	#NAME?	1
XLOC_000412	TMEM61	chr1:55446464-55457966	0.0303075	0	#NAME?	1
XLOC_000414	PCSK9	chr1:55505148-55530526	0.00717147	0	#NAME?	1
XLOC_000429	FOXD3	chr1:63788729-63790797	0.0223839	0	#NAME?	1
XLOC_000487	CLCA2	chr1:86889768-86922240	0.0130524	0	#NAME?	1
XLOC_000556	SRG7	chr1:109358519-109401144	0.0452541	0	#NAME?	1
XLOC_000566	GPR61	chr1:110082493-110088451	0.00653144	0	#NAME?	1
XLOC_000623	HSD3B2	chr1:119957553-119965662	0.0105452	0	#NAME?	1
XLOC_000636	HFE2	chr1:145413190-145417541	0.0122158	0	#NAME?	1
XLOC_000725	PRR9	chr1:153190059-153191793	0.0146783	0	#NAME?	1
XLOC_000732	NPR1	chr1:153651163-153666461	0.00503561	0	#NAME?	1
XLOC_000747	LENEP	chr1:154966061-154966791	0.0377855	0	#NAME?	1
XLOC_000749	DCST1	chr1:155006281-155042021	0.0109658	0	#NAME?	1
XLOC_000779	HAPLN2	chr1:156589085-156595517	0.0396118	0	#NAME?	1
XLOC_000813	SUMO1P3	chr1:160258376-160328742	0.0267475	0	#NAME?	1
XLOC_000831	FCGR2C	chr1:161551128-161571011	0.00601694	0	#NAME?	1
XLOC_000832	HSPA7	chr1:161575848-161578341	0.00955967	0	#NAME?	1
XLOC_000833	FCGR2B	chr1:161632904-161648444	0.0164493	0	#NAME?	1
XLOC_000834	FCRLA	chr1:161676761-161684142	0.00896785	0	#NAME?	1
XLOC_000855	MAEL	chr1:166958518-166991447	0.0194957	0	#NAME?	1
XLOC_000910	FAM163A	chr1:179712297-179785333	0.00711042	0	#NAME?	1
XLOC_000958	PTPRC	chr1:198608097-198726601	0.0124854	0	#NAME?	1
XLOC_000964	PKP1	chr1:201252579-201302121	0.00326643	0	#NAME?	1
XLOC_001011	IL19	chr1:206972214-207016321	0.0153888	0	#NAME?	1
XLOC_001022	LOC148696	chr1:207991723-207995941	0.016073	0	#NAME?	1
XLOC_001041	FAM71A	chr1:212797788-212800121	0.0235984	0	#NAME?	1
XLOC_001066	FAM177B	chr1:222910557-222924001	0.00997163	0	#NAME?	1
XLOC_001079	C1orf95	chr1:226736500-226796911	0.00228293	0	#NAME?	1
XLOC_001112	SLC35F3	chr1:234040678-234460262	0.0119358	0	#NAME?	1
XLOC_001116	LOC100506810	chr1:234859788-234867391	0.00891979	0	#NAME?	1
XLOC_001130	KMO	chr1:241695433-241803701	0.00290461	0	#NAME?	1
XLOC_001133	SDCCAG8	chr1:243419306-244006881	0.00562815	0	#NAME?	1
XLOC_001204	ANKRD65	chr1:1353799-1356824	0.0128318	0	#NAME?	1
XLOC_001205	TMEM240	chr1:1470157-1475740	0.0875225	0	#NAME?	1
XLOC_001358	MYOM3	chr1:24382530-24438665	0.00332771	0	#NAME?	1
XLOC_001384	FCN3	chr1:27695600-27701315	0.0463096	0	#NAME?	1
XLOC_001445	COL8A2	chr1:36560843-36565850	0.0148974	0	#NAME?	1
XLOC_001475	HEYL	chr1:40089102-40105348	0.00500632	0	#NAME?	1
XLOC_001519	RPS15AP10	chr1:46092975-46152302	0.0333083	0	#NAME?	1

XLOC_001604	PTGER3	chr1:71318035-71546972	0.0164348	0	#NAME?	1
XLOC_001624	C1orf180	chr1:85093912-85100703	0.00510927	0	#NAME?	1
XLOC_001626	LPAR3	chr1:85279085-85358896	0.0262654	0	#NAME?	1
XLOC_001666	DPYD	chr1:97543299-98386615	0.00353497	0	#NAME?	1
XLOC_001690	C1orf194	chr1:109648572-109656475	0.0232462	0	#NAME?	1
XLOC_001706	LRIF1	chr1:111489811-111506566	0.00770227	0	#NAME?	1
XLOC_001712	ADORA3	chr1:112025969-112106597	0.00737141	0	#NAME?	1
XLOC_001778	GJA5	chr1:147228331-147245484	0.00497612	0	#NAME?	1
XLOC_001822	RORC	chr1:151778546-151804348	0.00608486	0	#NAME?	1
XLOC_001954	KCNJ10	chr1:160007256-160040057	0.00577778	0	#NAME?	1
XLOC_001981	RPL31P11	chr1:161653494-161655047	0.0171482	0	#NAME?	1
XLOC_002008	C1orf114	chr1:169337193-169396670	0.0366077	0	#NAME?	1
XLOC_002063	TEDDM1	chr1:182367251-182369757	0.0134706	0	#NAME?	1
XLOC_002081	PDC	chr1:185703682-186446657	0.0129229	0	#NAME?	1
XLOC_002086	B3GALT2	chr1:193091087-193223947	0.01117644	0	#NAME?	1
XLOC_002132	GOLT1A	chr1:204167287-204183220	0.0303099	0	#NAME?	1
XLOC_002137	LRRN2	chr1:204586302-204654597	0.0150976	0	#NAME?	1
XLOC_002145	LOC284578	chr1:205523400-205525767	0.0072483	0	#NAME?	1
XLOC_002169	KCNH1	chr1:210851656-211307457	0.00406439	0	#NAME?	1
XLOC_002170	RD3	chr1:211649863-211666255	0.00390912	0	#NAME?	1
XLOC_002364	MRC1	chr10:17851361-17953178	0.00253305	0	#NAME?	1
XLOC_002405	GJD4	chr10:35894337-35897863	0.0194181	0	#NAME?	1
XLOC_002416	RET	chr10:43572516-43625797	0.00372656	0	#NAME?	1
XLOC_002418	FXFD4	chr10:43867091-43871783	0.0445862	0	#NAME?	1
XLOC_002442	CTSL1P2	chr10:48155942-48158691	0.0150507	0	#NAME?	1
XLOC_002450	WDFY4	chr10:49893517-50191001	0.00172152	0	#NAME?	1
XLOC_002469	FAM133CP	chr10:60272903-60588845	0.00609289	0	#NAME?	1
XLOC_002475	ZNF365	chr10:64133915-64431771	0.00356726	0	#NAME?	1
XLOC_002545	DYDC2	chr10:82095860-82127829	0.0263521	0	#NAME?	1
XLOC_002560	SNCG	chr10:88718287-88723017	0.0280551	0	#NAME?	1
XLOC_002642	WNT8B	chr10:102222811-10224338	0.0126464	0	#NAME?	1
XLOC_002694	ADRA2A	chr10:112836789-11284066	0.0159479	0	#NAME?	1
XLOC_002714	PNLIPRP2	chr10:118380464-11840468	0.0109047	0	#NAME?	1
XLOC_002768	C10orf91	chr10:134258713-13426182	0.0429488	0	#NAME?	1
XLOC_003000	SYNP02L	chr10:75404643-75415832	0.00462628	0	#NAME?	1
XLOC_003009	DUSP13	chr10:76854189-76868970	0.029834	0	#NAME?	1
XLOC_003025	GRID1	chr10:87337487-88126250	0.00326708	0	#NAME?	1
XLOC_003066	BLNK	chr10:97951454-98031333	0.0127729	0	#NAME?	1
XLOC_003089	CPN1	chr10:101802064-10184116	0.0125968	0	#NAME?	1
XLOC_003141	NRAP	chr10:115310589-11542382	0.00269969	0	#NAME?	1
XLOC_003145	AFAP1L2	chr10:116054582-11616457	0.00416631	0	#NAME?	1
XLOC_003147	GFRA1	chr10:117816441-11803312	0.00164537	0	#NAME?	1
XLOC_003174	CPXM2	chr10:125505151-12565150	0.0275486	0	#NAME?	1
XLOC_003197	TCERG1L	chr10:132890654-13310998	0.01893	0	#NAME?	1
XLOC_003258	KCNQ1DN	chr11:2891262-2893336	0.02438	0	#NAME?	1
XLOC_003262	TRPC2	chr11:3647689-3658789	0.0197604	0	#NAME?	1
XLOC_003272	OR52I1	chr11:4615268-4616243	0.0190148	0	#NAME?	1
XLOC_003294	OR56B4	chr11:6129008-6129968	0.0193039	0	#NAME?	1
XLOC_003312	OLFML1	chr11:7506599-7532606	0.00575986	0	#NAME?	1
XLOC_003416	C11orf96	chr11:43964105-43965433	0.0458976	0	#NAME?	1
XLOC_003430	CREB3L1	chr11:46299227-46342972	0.0088795	0	#NAME?	1
XLOC_003492	SMTNL1	chr11:57310113-57317747	0.041896	0	#NAME?	1
XLOC_003597	SLC22A11	chr11:64323097-64338999	0.00976408	0	#NAME?	1
XLOC_003614	MIR612	chr11:65211928-65212028	18.5829	0	#NAME?	1
XLOC_003627	SNX32	chr11:65601409-65621172	0.0128506	0	#NAME?	1
XLOC_003692	LOC100129216	chr11:71576554-71639493	0.286065	0	#NAME?	1
XLOC_003696	FOLR3	chr11:71846770-71850934	0.0602141	0	#NAME?	1
XLOC_003703	P2RY6	chr11:72975569-73009664	0.020232	0	#NAME?	1
XLOC_003786	C11orf70	chr11:101918168-10195528	0.00729899	0	#NAME?	1
XLOC_003794	GRIA4	chr11:105480799-10585287	0.00481172	0	#NAME?	1
XLOC_003869	POU2F3	chr11:120107348-12019068	0.0128906	0	#NAME?	1
XLOC_003917	BARX2	chr11:129245880-12932217	0.0124464	0	#NAME?	1
XLOC_003924	NTM	chr11:131240370-13220677	0.00582563	0	#NAME?	1
XLOC_003947	SCT	chr11:626312-627173	0.0855239	0	#NAME?	1
XLOC_003974	TRPM5	chr11:2425745-2444275	0.0211938	0	#NAME?	1
XLOC_004042	OR2AG2	chr11:6789237-6790188	0.0222222	0	#NAME?	1
XLOC_004043	OR6A2	chr11:6815755-6817139	0.0127795	0	#NAME?	1
XLOC_004044	OR2D2	chr11:6912804-6913731	0.0206868	0	#NAME?	1
XLOC_004056	STK33	chr11:8413417-8615503	0.0157757	0	#NAME?	1
XLOC_004151	ALX4	chr11:44282277-44331716	0.0041493	0	#NAME?	1
XLOC_004318	LOC100130348	chr11:64851693-64856542	0.0713353	0	#NAME?	1
XLOC_004416	MAP6	chr11:75297962-75379479	0.0134226	0	#NAME?	1
XLOC_004453	NOX4	chr11:89057521-89322779	0.00376838	0	#NAME?	1
XLOC_004472	VSTM5	chr11:93553734-93583668	0.0420874	0	#NAME?	1
XLOC_004485	ANGPTL5	chr11:101761404-10187178	0.0178704	0	#NAME?	1
XLOC_004503	CARD16	chr11:104912052-10491608	0.0263304	0	#NAME?	1
XLOC_004530	C11orf34	chr11:112118875-11213158	0.0234112	0	#NAME?	1
XLOC_004557	AMICA1	chr11:118064441-11809580	0.00728665	0	#NAME?	1
XLOC_004576	THY1	chr11:119252487-11936994	0.00827144	0	#NAME?	1

XLOC_004587	CLMP	chr11:122943032-1230660	0.00671937	0	#NAME?	1
XLOC_004649	CACNA1C	chr12:2162415-2807115	0.00125933	0	#NAME?	1
XLOC_004710	CLEC4D	chr12:8666135-8674960	0.0229131	0	#NAME?	1
XLOC_004712	A2ML1	chr12:8975149-9029381	0.00441486	0	#NAME?	1
XLOC_004732	BCL2L14	chr12:12223877-12252627	0.0256954	0	#NAME?	1
XLOC_004763	SLCO1C1	chr12:20848288-20906320	0.0100058	0	#NAME?	1
XLOC_004791	TSPAN11	chr12:31079837-31149537	0.00714975	0	#NAME?	1
XLOC_004794	DENND5B-AS1	chr12:31535156-31768285	0.102853	0	#NAME?	1
XLOC_004820	OR8S1	chr12:48919414-48921886	0.0211656	0	#NAME?	1
XLOC_004821	LOC255411	chr12:49121217-49159569	0.0352835	0	#NAME?	1
XLOC_004851	SCN8A	chr12:51985019-52206648	0.0097345	0	#NAME?	1
XLOC_004853	ACVRL1	chr12:52301201-52317145	0.0137346	0	#NAME?	1
XLOC_004972	IRAK3	chr12:66582977-66648394	0.00526659	0	#NAME?	1
XLOC_005102	CUX2	chr12:111471827-11178831	0.00281693	0	#NAME?	1
XLOC_005129	SRRM4	chr12:119419299-11960081	0.00622772	0	#NAME?	1
XLOC_005156	LRRC43	chr12:122652265-12268801	0.0322991	0	#NAME?	1
XLOC_005165	LOC100507091	chr12:123468026-12359497	0.00764878	0	#NAME?	1
XLOC_005182	LOC100507206	chr12:127215246-12725680	0.00710091	0	#NAME?	1
XLOC_005187	GLT1D1	chr12:129338080-12946950	0.00739912	0	#NAME?	1
XLOC_005201	LOC100130238	chr12:132680916-13290590	0.00553027	0	#NAME?	1
XLOC_005245	LPAR5	chr12:6728000-6745297	0.00924005	0	#NAME?	1
XLOC_005276	A2M	chr12:9217772-9268558	0.00931859	0	#NAME?	1
XLOC_005292	KLRC2	chr12:10583205-10588592	0.012854	0	#NAME?	1
XLOC_005301	TAS2R10	chr12:10977944-10978868	0.0185906	0	#NAME?	1
XLOC_005308	TAS2R31	chr12:10998447-11328619	0.0163717	0	#NAME?	1
XLOC_005309	TAS2R46	chr12:10998447-11328619	0.0384269	0	#NAME?	1
XLOC_005310	TAS2R43	chr12:10998447-11328619	0.0177958	0	#NAME?	1
XLOC_005345	GYS2	chr12:21689122-21757781	0.013106	0	#NAME?	1
XLOC_005364	C12orf71	chr12:27233989-27235455	0.0216791	0	#NAME?	1
XLOC_005366	PTHLH	chr12:28111016-28124916	0.017317	0	#NAME?	1
XLOC_005414	LALBA	chr12:48961466-48963829	0.0527614	0	#NAME?	1
XLOC_005417	SNORA2A	chr12:49046994-49076035	1.88946	0	#NAME?	1
XLOC_005426	WNT10B	chr12:49359122-49365641	0.00960213	0	#NAME?	1
XLOC_005441	FAIM2	chr12:50260678-50297760	0.00424677	0	#NAME?	1
XLOC_005507	DCD	chr12:55038374-55042149	0.0418673	0	#NAME?	1
XLOC_005577	LOC100130075	chr12:69198216-69199274	0.0213418	0	#NAME?	1
XLOC_005581	LRRC10	chr12:70002344-70004942	0.0139247	0	#NAME?	1
XLOC_005612	C12orf50	chr12:88373815-88423176	0.00771358	0	#NAME?	1
XLOC_005683	SVOP	chr12:109304657-10945884	0.00531853	0	#NAME?	1
XLOC_005790	GALNT9	chr12:132680916-13290590	0.0291484	0	#NAME?	1
XLOC_005823	WASF3	chr13:27131839-27263082	0.00339397	0	#NAME?	1
XLOC_005860	FREM2	chr13:39261172-39461267	0.000971052	0	#NAME?	1
XLOC_005910	TPTE2P3	chr13:53063127-53161225	0.00552268	0	#NAME?	1
XLOC_005955	GPC5	chr13:92050934-93519487	0.0118395	0	#NAME?	1
XLOC_005987	MYO16	chr13:109248499-10986031	0.00238412	0	#NAME?	1
XLOC_006015	TPTE2	chr13:19997018-20135714	0.00843069	0	#NAME?	1
XLOC_006051	FLT1	chr13:28874482-29069265	0.00216493	0	#NAME?	1
XLOC_006058	LINC00426	chr13:30914406-30948036	0.0109464	0	#NAME?	1
XLOC_006062	ZAR1L	chr13:32877907-32886091	0.0862799	0	#NAME?	1
XLOC_006097	ENOX1	chr13:43787665-44361116	0.0194616	0	#NAME?	1
XLOC_006108	SIAH3	chr13:46354415-46425846	0.0048771	0	#NAME?	1
XLOC_006131	DLEU7	chr13:51286758-51424041	0.0231007	0	#NAME?	1
XLOC_006220	COL4A1	chr13:110801309-11095941	0.00253406	0	#NAME?	1
XLOC_006261	RNASE3	chr14:21359561-21360507	0.0254641	0	#NAME?	1
XLOC_006262	ECRP	chr14:21387499-21388335	0.0350136	0	#NAME?	1
XLOC_006313	COCH	chr14:31343740-31359822	0.00532375	0	#NAME?	1
XLOC_006318	NPAS3	chr14:33408458-34273382	0.00298288	0	#NAME?	1
XLOC_006367	RPL13AP3	chr14:56232962-56234435	0.0123937	0	#NAME?	1
XLOC_006387	PRKCH	chr14:61788514-62017698	0.00503736	0	#NAME?	1
XLOC_006405	LINC00238	chr14:66953108-66965271	0.0128147	0	#NAME?	1
XLOC_006414	ACTN1-AS1	chr14:69446398-69454180	0.0609118	0	#NAME?	1
XLOC_006416	GALNT16	chr14:69726680-69821190	0.0207605	0	#NAME?	1
XLOC_006421	SMOC1	chr14:70346113-70499083	0.00522004	0	#NAME?	1
XLOC_006471	C14orf178	chr14:78183943-78236085	0.0409645	0	#NAME?	1
XLOC_006479	LOC283587	chr14:88490893-88553688	0.0228376	0	#NAME?	1
XLOC_006491	SNORA11B	chr14:91580356-91691703	2.65744	0	#NAME?	1
XLOC_006648	LINC00637	chr14:104314057-10432431	0.0200313	0	#NAME?	1
XLOC_006676	OR11H2	chr14:20181062-20182491	0.0188419	0	#NAME?	1
XLOC_006688	RNASE11,RNASE12	chr14:21051051-21058982	0.00866284	0	#NAME?	1
XLOC_006691	NDRG2	chr14:21484921-21493935	0.0165439	0	#NAME?	1
XLOC_006753	LOC100506071	chr14:31343740-31359822	0.00680508	0	#NAME?	1
XLOC_006770	PTSC3	chr14:36539632-36645857	0.0279297	0	#NAME?	1
XLOC_006873	SLC10A1	chr14:70242551-70264006	0.0216736	0	#NAME?	1
XLOC_006875	ADAM21P1	chr14:70712469-70714518	0.00742411	0	#NAME?	1
XLOC_006917	DIO2	chr14:80663867-80921810	0.0021592	0	#NAME?	1
XLOC_006951	SERPINA10	chr14:94749649-94759608	0.00776202	0	#NAME?	1
XLOC_006996	GPR132	chr14:105515736-10553171	0.00673831	0	#NAME?	1
XLOC_007021	PAR5	chr15:25230006-25233379	0.00374863	0	#NAME?	1
XLOC_007112	DKFZP434L187	chr15:30488238-30506743	0.00320894	0	#NAME?	1

XLOC_007238	C2CD4A	chr15:62359175-62363116	0.00680852	0	#NAME?	1
XLOC_007300	LOC729739	chr15:74630102-74660081	0.0912997	0	#NAME?	1
XLOC_007321	ISL2	chr15:76629146-76634816	0.0206824	0	#NAME?	1
XLOC_007348	C15orf26	chr15:81426643-81441516	0.00937644	0	#NAME?	1
XLOC_007373	LOC100506874	chr15:85070426-85123412	0.0192711	0	#NAME?	1
XLOC_007378	SLC28A1	chr15:85427912-85489027	0.0146527	0	#NAME?	1
XLOC_007416	ASB9P1	chr15:93338713-93340338	0.0108678	0	#NAME?	1
XLOC_007466	OCA2	chr15:28000022-28344458	0.00578773	0	#NAME?	1
XLOC_007500	CSNK1A1P1	chr15:36871811-37110707	0.00896501	0	#NAME?	1
XLOC_007509	ANKRD63	chr15:40573644-40574787	0.109473	0	#NAME?	1
XLOC_007529	PLA2G4D	chr15:42359880-42386752	0.0055326	0	#NAME?	1
XLOC_007572	HDC	chr15:50534145-50558162	0.0198066	0	#NAME?	1
XLOC_007578	TNFAIP8L3	chr15:51348798-51397473	0.00792779	0	#NAME?	1
XLOC_007590	ONECUT1	chr15:53049159-53082209	0.0117034	0	#NAME?	1
XLOC_007638	IGDCC3	chr15:65619464-65670378	0.00450854	0	#NAME?	1
XLOC_007744	LOC338963	chr15:83379222-83382745	0.0319108	0	#NAME?	1
XLOC_007791	PGPEP1L	chr15:99511458-99551024	0.0231739	0	#NAME?	1
XLOC_007826	C16orf11	chr16:610421-615529	0.0156017	0	#NAME?	1
XLOC_007844	SSTR5	chr16:1114081-1131454	0.013411	0	#NAME?	1
XLOC_007925	LOC440335	chr16:4827614-4846492	0.124546	0	#NAME?	1
XLOC_008075	ITGAD	chr16:31404632-31437826	0.00495489	0	#NAME?	1
XLOC_008087	FLJ26245, RNA5SP411	chr16:34980893-34990995	0.0347387	0	#NAME?	1
XLOC_008156	CDH5	chr16:66400524-66438689	0.00467065	0	#NAME?	1
XLOC_008225	HP	chr16:72088507-72094955	0.0264547	0	#NAME?	1
XLOC_008329	C1QTNF8	chr16:1138225-1146244	0.00886315	0	#NAME?	1
XLOC_008371	PRSS33	chr16:2833953-2836708	0.0173854	0	#NAME?	1
XLOC_008372	PRSS30P	chr16:2889573-2892752	0.0146689	0	#NAME?	1
XLOC_008381	MEFV	chr16:3292027-3306627	0.00578967	0	#NAME?	1
XLOC_008406	C16orf89	chr16:5094122-5116146	0.0132528	0	#NAME?	1
XLOC_008430	PLA2G10	chr16:14766404-14788526	0.0314219	0	#NAME?	1
XLOC_008458	DNAH3	chr16:20944475-21191937	0.0013259	0	#NAME?	1
XLOC_008467	PDZD9	chr16:21995185-22012431	0.0154868	0	#NAME?	1
XLOC_008606	LOC283867	chr16:65318401-65610203	0.00821691	0	#NAME?	1
XLOC_008622	KCTD19	chr16:67311412-67360661	0.00559447	0	#NAME?	1
XLOC_008712	FENDRR	chr16:86508130-86542466	0.0164657	0	#NAME?	1
XLOC_008792	LOC339166	chr17:5675553-5834016	0.0111716	0	#NAME?	1
XLOC_008799	XAF1	chr17:6659155-6678964	0.00794885	0	#NAME?	1
XLOC_008831	EFNB3	chr17:7608519-7614693	0.0272973	0	#NAME?	1
XLOC_008857	DNAH9	chr17:11501747-11873065	0.00501793	0	#NAME?	1
XLOC_008883	FAM106CP	chr17:16690205-16707819	0.00883677	0	#NAME?	1
XLOC_008917	LOC100287072	chr17:20615758-20641178	0.00621264	0	#NAME?	1
XLOC_008920	KCNJ12, KCNJ18	chr17:21279698-21323179	0.00437025	0	#NAME?	1
XLOC_008967	DPRXP4	chr17:29297955-29326929	0.0252038	0	#NAME?	1
XLOC_008982	SPACA3	chr17:31318881-31324892	0.0605882	0	#NAME?	1
XLOC_008992	UNC45B	chr17:33474835-33516364	0.00294622	0	#NAME?	1
XLOC_009011	C17orf78	chr17:35441926-35766902	0.00833022	0	#NAME?	1
XLOC_009084	AOC4	chr17:41019161-41021234	0.0311048	0	#NAME?	1
XLOC_009085	G6PC	chr17:41052813-41066450	0.00392514	0	#NAME?	1
XLOC_009132	MYL4	chr17:45286427-45301045	0.0512448	0	#NAME?	1
XLOC_009155	NXPH3	chr17:47653297-47661171	0.00337564	0	#NAME?	1
XLOC_009288	SMIM6	chr17:73584138-73663269	0.0867395	0	#NAME?	1
XLOC_009294	ZACN	chr17:74075262-74099868	0.0175592	0	#NAME?	1
XLOC_009410	ATP2A3	chr17:3827162-3867758	0.00664186	0	#NAME?	1
XLOC_009436	AIP1L1	chr17:6327058-6338519	0.00656371	0	#NAME?	1
XLOC_009441	SLC13A5	chr17:6588038-6616740	0.00582963	0	#NAME?	1
XLOC_009442	TEKT1	chr17:6703299-6735060	0.0119329	0	#NAME?	1
XLOC_009483	KRBA2	chr17:8271972-8274858	0.0228176	0	#NAME?	1
XLOC_009487	CCDC42	chr17:8633245-8648154	0.0156028	0	#NAME?	1
XLOC_009495	GAS7	chr17:9813925-10101868	0.00237277	0	#NAME?	1
XLOC_009499	MYH1	chr17:10395626-10421859	0.00218288	0	#NAME?	1
XLOC_009603	EVI2A	chr17:29421944-29704695	0.014671	0	#NAME?	1
XLOC_009606	ARGFXP2	chr17:30469472-30552746	0.0128331	0	#NAME?	1
XLOC_009619	SLFN13	chr17:33762114-33775856	0.00180856	0	#NAME?	1
XLOC_009696	KRTAP2-1	chr17:39202795-39203568	0.0537734	0	#NAME?	1
XLOC_009699	KRTAP2-4	chr17:39221367-39222131	0.120519	0	#NAME?	1
XLOC_009755	LINC00671	chr17:41026690-41050751	0.0100432	0	#NAME?	1
XLOC_009762	MEOX1	chr17:41717757-41739262	0.00874733	0	#NAME?	1
XLOC_009767	PPY	chr17:42018171-42019833	0.0599409	0	#NAME?	1
XLOC_009778	ITGA2B	chr17:42449549-42466873	0.00731465	0	#NAME?	1
XLOC_009783	GFAP	chr17:42982993-42992920	0.00613211	0	#NAME?	1
XLOC_009788	SPATA32	chr17:43325302-43394414	0.0485024	0	#NAME?	1
XLOC_009800	RPRML	chr17:45055521-45056614	0.0917877	0	#NAME?	1
XLOC_009807	PRR15L	chr17:46029333-46035243	0.0126505	0	#NAME?	1
XLOC_009872	HSF5	chr17:56497528-56565759	0.00369001	0	#NAME?	1
XLOC_009890	SCARNA20	chr17:58254690-58469586	2.92864	0	#NAME?	1
XLOC_009892	NACA2	chr17:59667793-59668563	0.0225794	0	#NAME?	1
XLOC_009954	CD300E	chr17:72606021-72619897	0.00400859	0	#NAME?	1
XLOC_009998	FLJ45079	chr17:75875082-75880169	0.00363295	0	#NAME?	1
XLOC_010064	ZNF750	chr17:80709939-80901062	0.0199059	0	#NAME?	1

XLOC_010096	EMILIN2	chr18:2847027-2914090	0.00476349	0	#NAME?	1
XLOC_010186	SLC14A2	chr18:42792946-43263060	0.0142955	0	#NAME?	1
XLOC_010208	RAB27B	chr18:52495707-52562747	0.00209294	0	#NAME?	1
XLOC_010270	LINC00470	chr18:1268311-1359630	0.00766175	0	#NAME?	1
XLOC_010379	LINC-ROR	chr18:54721803-54739350	0.00581398	0	#NAME?	1
XLOC_010384	ALPK2	chr18:56148481-56296189	0.00182028	0	#NAME?	1
XLOC_010402	CD226	chr18:67530192-67624232	0.0153419	0	#NAME?	1
XLOC_010421	MADCAM1	chr19:496489-505343	0.0633984	0	#NAME?	1
XLOC_010434	AZU1	chr19:827830-832017	0.0371212	0	#NAME?	1
XLOC_010435	PRTN3	chr19:840984-848175	0.101843	0	#NAME?	1
XLOC_010436	ELANE	chr19:852290-856246	0.0873722	0	#NAME?	1
XLOC_010505	MIR7-3HG	chr19:4769116-4772568	0.0334376	0	#NAME?	1
XLOC_010542	CLEC4M	chr19:7828034-7834491	0.0133322	0	#NAME?	1
XLOC_010591	C19orf80	chr19:11309968-11373168	0.0557994	0	#NAME?	1
XLOC_010633	RLN3	chr19:14139016-14141783	0.0685469	0	#NAME?	1
XLOC_010640	CLEC17A	chr19:14693895-14721956	0.0086045	0	#NAME?	1
XLOC_010646	SYDE1	chr19:15218213-15236577	0.0180866	0	#NAME?	1
XLOC_010650	CYP4F3	chr19:15751706-15771570	0.00617035	0	#NAME?	1
XLOC_010735	ZNF492	chr19:22817125-22850472	0.00643987	0	#NAME?	1
XLOC_010776	FXSD3	chr19:35606731-35615228	0.0138169	0	#NAME?	1
XLOC_010782	HAMP	chr19:35773409-35776045	0.0673057	0	#NAME?	1
XLOC_010808	OVOL3	chr19:36602104-36616849	0.104647	0	#NAME?	1
XLOC_010856	LOC100129935	chr19:40129324-40133041	0.0100427	0	#NAME?	1
XLOC_010875	CYP2F1	chr19:41620352-41634281	0.0159687	0	#NAME?	1
XLOC_010960	DACT3-AS1	chr19:47150868-47220384	0.0480136	0	#NAME?	1
XLOC_011169	LILRB1	chr19:55128628-55149004	0.0130017	0	#NAME?	1
XLOC_011228	ZIK1	chr19:58095627-58103758	0.0116526	0	#NAME?	1
XLOC_011287	CSNK1G2-AS1	chr19:1941160-1981336	0.0421246	0	#NAME?	1
XLOC_011296	LINGO3	chr19:2289773-2308156	0.0259342	0	#NAME?	1
XLOC_011337	PTPRS	chr19:5205518-5340814	0.00341201	0	#NAME?	1
XLOC_011468	LYL1	chr19:13209841-13213974	0.0210953	0	#NAME?	1
XLOC_011506	CYP4F2	chr19:15988833-16008884	0.0159523	0	#NAME?	1
XLOC_011510	CALR3	chr19:16589867-16607003	0.0141377	0	#NAME?	1
XLOC_011535	LRRC25	chr19:18501953-18508415	0.0516744	0	#NAME?	1
XLOC_011559	ZNF682	chr19:20115226-20150277	0.00780998	0	#NAME?	1
XLOC_011568	ZNF208	chr19:22148896-22193745	0.00251471	0	#NAME?	1
XLOC_011571	ZNF99	chr19:22934984-22966973	0.00309253	0	#NAME?	1
XLOC_011577	HAVCR1P1	chr19:24344994-24346249	0.0521264	0	#NAME?	1
XLOC_011605	UPK1A-AS1	chr19:36157714-36169367	0.0532014	0	#NAME?	1
XLOC_011618	COX7A1	chr19:36641823-36643771	0.0440316	0	#NAME?	1
XLOC_011622	ZFP82	chr19:36882860-36909550	0.00525242	0	#NAME?	1
XLOC_011640	WDR87	chr19:38375471-38397317	0.00135205	0	#NAME?	1
XLOC_011723	PSG9	chr19:43757434-43773682	0.0183089	0	#NAME?	1
XLOC_011750	EXOC3L2	chr19:45715878-45737469	0.0329693	0	#NAME?	1
XLOC_011751	CKM	chr19:45809670-45826235	0.0499831	0	#NAME?	1
XLOC_011777	PNMAL1	chr19:46969747-46974820	0.00506209	0	#NAME?	1
XLOC_011825	CGB	chr19:49526125-49527632	0.0373575	0	#NAME?	1
XLOC_011870	ASPDH	chr19:51014856-51017947	0.0368797	0	#NAME?	1
XLOC_011904	SIGLEC5	chr19:52114755-52133727	0.00712693	0	#NAME?	1
XLOC_011932	LOC284379	chr19:54102884-54106751	0.0144853	0	#NAME?	1
XLOC_011971	SHISA7	chr19:55940104-55954230	0.0143795	0	#NAME?	1
XLOC_011991	ZNF772	chr19:57980953-57988938	0.00940938	0	#NAME?	1
XLOC_012084	CCDC164	chr2:26624783-26679579	0.00580779	0	#NAME?	1
XLOC_012086	KCNK3	chr2:26915580-26954066	0.012511	0	#NAME?	1
XLOC_012213	MEIS1	chr2:66662531-66799891	0.0161452	0	#NAME?	1
XLOC_012229	VAX2	chr2:71127719-71160575	0.0593167	0	#NAME?	1
XLOC_012311	ITPRIPL1	chr2:96991061-96994091	0.0104101	0	#NAME?	1
XLOC_012351	GPR45	chr2:105858199-10585992	0.0164184	0	#NAME?	1
XLOC_012356	RGPD4	chr2:108443387-108509000	0.00205861	0	#NAME?	1
XLOC_012383	IL37	chr2:113670547-113676458	0.115802	0	#NAME?	1
XLOC_012411	INHBB	chr2:121103718-121109388	0.00779903	0	#NAME?	1
XLOC_012419	MYO7B	chr2:128293377-128395303	0.00650136	0	#NAME?	1
XLOC_012423	RAB6C	chr2:130724164-130740311	0.0051658	0	#NAME?	1
XLOC_012439	TUBA3D	chr2:132202795-132360468	0.0803837	0	#NAME?	1
XLOC_012454	HNMT	chr2:138721807-138773934	0.0511421	0	#NAME?	1
XLOC_012461	PABPC1P2	chr2:147344624-147348558	0.00376871	0	#NAME?	1
XLOC_012474	KCNJ3	chr2:155555092-155714864	0.00348191	0	#NAME?	1
XLOC_012497	DHR9	chr2:169921298-169952677	0.0117166	0	#NAME?	1
XLOC_012499	KLHL41	chr2:170366211-170382777	0.0111115	0	#NAME?	1
XLOC_012523	HOXD13	chr2:176957531-176960668	0.00866063	0	#NAME?	1
XLOC_012581	AOX2P	chr2:201560445-201658941	0.00839177	0	#NAME?	1
XLOC_012663	DES	chr2:220283098-220291461	0.0102765	0	#NAME?	1
XLOC_012664	SPEG	chr2:220299699-220358354	0.0267911	0	#NAME?	1
XLOC_012666	ASIC4	chr2:220378891-220403494	0.0271073	0	#NAME?	1
XLOC_012681	COL4A3	chr2:228029280-228179508	0.00196656	0	#NAME?	1
XLOC_012735	LOC643387	chr2:239140326-239142988	0.00578258	0	#NAME?	1
XLOC_012759	NEU4	chr2:242750159-242758738	0.0331416	0	#NAME?	1
XLOC_012813	LOC645949	chr2:21910305-21933524	0.0197964	0	#NAME?	1
XLOC_012937	DBIL5P2	chr2:63344985-63346677	0.00911091	0	#NAME?	1

XLOC_012967	ADD2	chr2:70889215-70995375	0.00486034	0	#NAME?	1
XLOC_012999	TACR1	chr2:75273589-75426645	0.00965731	0	#NAME?	1
XLOC_013066	LYG2	chr2:99858710-99871570	0.0242222	0	#NAME?	1
XLOC_013089	EDAR	chr2:109510926-109605828	0.00360726	0	#NAME?	1
XLOC_013122	C1QL2	chr2:119913818-11991647	0.021032	0	#NAME?	1
XLOC_013150	LOC100216479	chr2:131174325-131186118	0.0105868	0	#NAME?	1
XLOC_013154	WTH3DI	chr2:132118064-13212173	0.00414557	0	#NAME?	1
XLOC_013212	SCN3A	chr2:165944029-166060577	0.00166303	0	#NAME?	1
XLOC_013266	NEUROD1	chr2:182540832-182545392	0.00671543	0	#NAME?	1
XLOC_013290	LOC100130452	chr2:197504355-197597530	0.048417	0	#NAME?	1
XLOC_013309	ALS2CR12	chr2:202153146-20222210	0.051028	0	#NAME?	1
XLOC_013365	FEV	chr2:219845808-219850378	0.0260467	0	#NAME?	1
XLOC_013414	SNORA75	chr2:232319458-232329208	2.40392	0	#NAME?	1
XLOC_013447	MGC16025	chr2:239969863-240322642	0.0096768	0	#NAME?	1
XLOC_013455	OTOS	chr2:241078445-241080072	0.100948	0	#NAME?	1
XLOC_013490	TMC2	chr20:2517252-2622430	0.00522271	0	#NAME?	1
XLOC_013532	ISM1	chr20:13202417-13281297	0.00710798	0	#NAME?	1
XLOC_013554	C20orf26	chr20:20015011-20341346	0.00909449	0	#NAME?	1
XLOC_013614	ASIP	chr20:32848170-32857148	0.0755982	0	#NAME?	1
XLOC_013648	SNORA39	chr20:37075296-37079564	1.9337	0	#NAME?	1
XLOC_013674	WISP2	chr20:43343884-43356452	0.0189876	0	#NAME?	1
XLOC_013686	WFDC10A	chr20:44236577-44259907	0.0495439	0	#NAME?	1
XLOC_013687	WFDC13	chr20:44313289-44337456	0.0363643	0	#NAME?	1
XLOC_013742	APCDD1L-AS1	chr20:57090434-57194948	0.0102657	0	#NAME?	1
XLOC_013773	LOC100144597	chr20:61640734-61716423	0.0194096	0	#NAME?	1
XLOC_013798	MYT1	chr20:62795826-62873606	0.00353674	0	#NAME?	1
XLOC_013809	ANGPT4	chr20:853296-896960	0.0214586	0	#NAME?	1
XLOC_013976	JPH2	chr20:42740336-42816218	0.0135535	0	#NAME?	1
XLOC_013986	WFDC5	chr20:43738092-43743813	0.0259794	0	#NAME?	1
XLOC_014015	SULF2	chr20:46286149-46415360	0.00452987	0	#NAME?	1
XLOC_014041	GCNT7	chr20:55043646-55101208	0.00751434	0	#NAME?	1
XLOC_014072	LINC00029	chr20:61640734-61716423	0.0123187	0	#NAME?	1
XLOC_014080	SRMS	chr20:62172162-62178857	0.0398536	0	#NAME?	1
XLOC_014120	LINC00161	chr21:29911639-29912677	0.0311185	0	#NAME?	1
XLOC_014123	LINC00189	chr21:30565814-30660526	0.0236022	0	#NAME?	1
XLOC_014138	MRAP	chr21:33664123-33765312	0.0399794	0	#NAME?	1
XLOC_014151	LINC00649	chr21:35303515-35343487	0.0387731	0	#NAME?	1
XLOC_014171	KCNJ15	chr21:39601836-39673746	0.005918	0	#NAME?	1
XLOC_014196	LINC00319	chr21:44869903-44873771	0.0268326	0	#NAME?	1
XLOC_014217	ITGB2-AS1	chr21:46305867-46349595	0.00936788	0	#NAME?	1
XLOC_014310	KCNE1	chr21:35818985-35884573	0.00487946	0	#NAME?	1
XLOC_014314	RUNX1-IT1	chr21:36160097-36421595	0.0115213	0	#NAME?	1
XLOC_014317	LOC100133286	chr21:37441939-37498938	0.105544	0	#NAME?	1
XLOC_014374	ITGB2	chr21:46305867-46349595	0.00833124	0	#NAME?	1
XLOC_014377	LINC00162	chr21:46419126-46424642	0.0405298	0	#NAME?	1
XLOC_014380	COL18A1-AS2	chr21:46825096-46933634	0.050396	0	#NAME?	1
XLOC_014381	COL18A1-AS1	chr21:46825096-46933634	0.00661492	0	#NAME?	1
XLOC_014480	MYO18B	chr22:26138119-26427007	0.00229841	0	#NAME?	1
XLOC_014521	RFPL3	chr22:32750871-32767063	0.0167532	0	#NAME?	1
XLOC_014574	GRAP2	chr22:40297085-40367384	0.0237509	0	#NAME?	1
XLOC_014619	RIBC2	chr22:45809571-45828302	0.0157074	0	#NAME?	1
XLOC_014640	MOV10L1	chr22:50528434-50600116	0.0190587	0	#NAME?	1
XLOC_014658	XKR3	chr22:17264305-17302584	0.00867404	0	#NAME?	1
XLOC_014709	POM121L1P	chr22:22974027-22987012	0.00956503	0	#NAME?	1
XLOC_014710	RTDR1	chr22:23401592-23484241	0.0871289	0	#NAME?	1
XLOC_014732	TMEM211	chr22:25331207-25335314	0.104565	0	#NAME?	1
XLOC_014764	SEC14L3	chr22:30855215-30868034	0.00841435	0	#NAME?	1
XLOC_014773	PLA2G3	chr22:31530792-31536469	0.0218382	0	#NAME?	1
XLOC_014854	SHISA8	chr22:42305557-42310671	0.0469947	0	#NAME?	1
XLOC_014896	C22orf34	chr22:50013289-50051190	0.00804335	0	#NAME?	1
XLOC_014899	IL17REL	chr22:50432941-50451055	0.00710597	0	#NAME?	1
XLOC_014966	FGD5	chr3:14860468-14976072	0.00649409	0	#NAME?	1
XLOC_014973	GALNT15	chr3:16216183-16271253	0.00368725	0	#NAME?	1
XLOC_015014	ITGA9	chr3:37493812-37861281	0.00409736	0	#NAME?	1
XLOC_015018	DLEC1	chr3:38080695-38178733	0.0272532	0	#NAME?	1
XLOC_015066	TGM4	chr3:44916097-44956088	0.0104859	0	#NAME?	1
XLOC_015169	C3orf49	chr3:63805040-63849597	0.0123014	0	#NAME?	1
XLOC_015191	FRG2C	chr3:75713480-75716368	0.0085058	0	#NAME?	1
XLOC_015201	EPHA3	chr3:89156673-89531284	0.00577238	0	#NAME?	1
XLOC_015242	LINC00636	chr3:107602051-107647752	0.0183746	0	#NAME?	1
XLOC_015356	SLC35G2	chr3:136537860-136574732	0.00905495	0	#NAME?	1
XLOC_015363	ESYT3	chr3:138153414-138197256	0.00353074	0	#NAME?	1
XLOC_015376	GRK7	chr3:141497042-141535892	0.0119809	0	#NAME?	1
XLOC_015436	EGFEM1P	chr3:167967309-168548372	0.00441412	0	#NAME?	1
XLOC_015445	CLDN11	chr3:170136652-170152478	0.0213169	0	#NAME?	1
XLOC_015452	LINC00578	chr3:177159708-177470492	0.0114601	0	#NAME?	1
XLOC_015453	KCNMB2-IT1	chr3:178136988-178175092	0.131184	0	#NAME?	1
XLOC_015495	AHS3	chr3:186330849-186339107	0.0258903	0	#NAME?	1
XLOC_015511	TPRG1	chr3:188889762-189041272	0.00455738	0	#NAME?	1

XLOC_015514	CLDN16	chr3:190105660-190129932	0.00468526	0	#NAME?	1
XLOC_015553	LMCD1-AS1	chr3:8262833-8543344	0.00722485	0	#NAME?	1
XLOC_015571	ATP2B2	chr3:10365706-10547268	0.00228232	0	#NAME?	1
XLOC_015637	SCN11A	chr3:38887259-38992052	0.00466604	0	#NAME?	1
XLOC_015641	CX3CR1	chr3:39304984-39323226	0.00556872	0	#NAME?	1
XLOC_015660	LARS2-AS1	chr3:45430074-45590328	0.00778451	0	#NAME?	1
XLOC_015668	LRRC2	chr3:46556877-46608040	0.00263669	0	#NAME?	1
XLOC_015788	DNASE1L3	chr3:58178352-58196730	0.018608	0	#NAME?	1
XLOC_015791	FAM107A	chr3:58549844-58563491	0.00577541	0	#NAME?	1
XLOC_015813	FRMD4B	chr3:69219145-69435430	0.00268009	0	#NAME?	1
XLOC_015834	STX19	chr3:93698982-93774522	0.0226562	0	#NAME?	1
XLOC_015864	PVRL3-AS1	chr3:110764162-110788800	0.0598311	0	#NAME?	1
XLOC_015867	SLC9C1	chr3:111859751-112013074	0.00297911	0	#NAME?	1
XLOC_015895	HGD	chr3:120347014-120401411	0.0162551	0	#NAME?	1
XLOC_015914	MUC13	chr3:124624288-124653590	0.00578238	0	#NAME?	1
XLOC_015964	KY	chr3:134318764-134369864	0.00296207	0	#NAME?	1
XLOC_015974	PRR23A	chr3:138722803-138725110	0.00975911	0	#NAME?	1
XLOC_016007	CLRN1	chr3:150643949-150797617	0.0135309	0	#NAME?	1
XLOC_016111	TPRG1-AS2	chr3:188889762-189041271	0.0434792	0	#NAME?	1
XLOC_016120	ATP13A4	chr3:193119865-193272690	0.00363221	0	#NAME?	1
XLOC_016121	OPA1-AS1	chr3:193310932-193415600	0.0418948	0	#NAME?	1
XLOC_016126	LRRC15	chr3:194075975-194090472	0.00327635	0	#NAME?	1
XLOC_016127	GP5	chr3:194115549-194119990	0.023009	0	#NAME?	1
XLOC_016379	EREG	chr4:75230859-75254477	0.00330737	0	#NAME?	1
XLOC_016422	SPP1	chr4:88896801-88904563	0.00870096	0	#NAME?	1
XLOC_016492	FGF2	chr4:123747862-123844150	0.00680956	0	#NAME?	1
XLOC_016499	SLC25A31	chr4:128651554-128695447	0.0106151	0	#NAME?	1
XLOC_016516	IL15	chr4:142557748-142655140	0.00811581	0	#NAME?	1
XLOC_016606	ZFP42	chr4:188916924-188926190	0.00683705	0	#NAME?	1
XLOC_016721	BEND4	chr4:42112869-42154895	0.00198254	0	#NAME?	1
XLOC_016728	COX7B2	chr4:46736846-46911252	0.0947644	0	#NAME?	1
XLOC_016763	TMPRSS11D	chr4:68686593-68749716	0.00460055	0	#NAME?	1
XLOC_016806	CCDC158	chr4:77234191-77328458	0.00347741	0	#NAME?	1
XLOC_016807	SOWAHB	chr4:77816081-77819002	0.0071343	0	#NAME?	1
XLOC_016856	ADH6	chr4:100010007-100222510	0.0111853	0	#NAME?	1
XLOC_016895	NEUROG2	chr4:113434671-113437320	0.0122316	0	#NAME?	1
XLOC_016977	FAM198B	chr4:159045731-159094200	0.00319292	0	#NAME?	1
XLOC_016982	FSTL5	chr4:162305043-163085180	0.00257381	0	#NAME?	1
XLOC_017005	HPGD	chr4:175411327-175444040	0.00517066	0	#NAME?	1
XLOC_017026	SLSD1	chr4:185676748-185747210	0.0613797	0	#NAME?	1
XLOC_017052	LRRC14B	chr5:191625-195468	0.0234425	0	#NAME?	1
XLOC_017078	ROPN1L	chr5:10441973-10465138	0.0549589	0	#NAME?	1
XLOC_017121	NIM1	chr5:43192169-43280952	0.0115836	0	#NAME?	1
XLOC_017138	IL31RA	chr5:55147206-55218682	0.0115966	0	#NAME?	1
XLOC_017176	PMCHL2	chr5:70671611-70681820	0.00767784	0	#NAME?	1
XLOC_017264	SNORA13	chr5:111496222-111498190	2.21816	0	#NAME?	1
XLOC_017373	PCDHB6	chr5:140529838-140532860	0.00730611	0	#NAME?	1
XLOC_017414	AFAP1L1	chr5:148651400-148721367	0.00386469	0	#NAME?	1
XLOC_017443	PPP1R2P3	chr5:156277548-156279530	0.00802725	0	#NAME?	1
XLOC_017481	EFCAB9	chr5:171621175-171630450	0.0540596	0	#NAME?	1
XLOC_017492	HMP19	chr5:173472606-173536180	0.0156719	0	#NAME?	1
XLOC_017504	CDHR2	chr5:175969511-176022760	0.0146894	0	#NAME?	1
XLOC_017605	AGXT2	chr5:34998205-35048240	0.00728646	0	#NAME?	1
XLOC_017613	RANBP3L	chr5:36249103-36302011	0.0147718	0	#NAME?	1
XLOC_017680	LOC100303749	chr5:65222381-65376851	0.0194653	0	#NAME?	1
XLOC_017690	LOC647859	chr5:70370029-70388897	0.0266935	0	#NAME?	1
XLOC_017722	ACOT12	chr5:80256507-81047072	0.00858128	0	#NAME?	1
XLOC_017754	LOC100133050	chr5:99715208-99723958	0.0342834	0	#NAME?	1
XLOC_017787	C5orf63	chr5:126378249-126409180	0.0024072	0	#NAME?	1
XLOC_017794	ACSL6	chr5:131285666-131347761	0.0066439	0	#NAME?	1
XLOC_017830	KLHL3	chr5:136953188-137071770	0.00439032	0	#NAME?	1
XLOC_017844	SLC23A1	chr5:138677518-138719030	0.0344385	0	#NAME?	1
XLOC_017851	NRG2	chr5:139226363-139422880	0.00748532	0	#NAME?	1
XLOC_017860	SLC25A2	chr5:140682195-140683610	0.0414427	0	#NAME?	1
XLOC_017884	SPINK1	chr5:147204142-147211260	0.106565	0	#NAME?	1
XLOC_017906	SLC36A2	chr5:150694538-150727151	0.00497364	0	#NAME?	1
XLOC_017923	FND9	chr5:156693090-156822600	0.0298124	0	#NAME?	1
XLOC_017974	PFN3	chr5:176827107-176827630	0.216893	0	#NAME?	1
XLOC_017992	GRM6	chr5:178405329-178422120	0.00320938	0	#NAME?	1
XLOC_017996	CBY3	chr5:179105558-179107970	0.0475317	0	#NAME?	1
XLOC_018053	ELOVL2-AS1	chr6:10980992-11079377	0.0105882	0	#NAME?	1
XLOC_018058	PHACTR1	chr6:12717036-13295818	0.00633119	0	#NAME?	1
XLOC_018080	NRSN1	chr6:24126413-24147757	0.00623427	0	#NAME?	1
XLOC_018100	HIST1H2BE	chr6:26184023-26184458	0.0927424	0	#NAME?	1
XLOC_018141	NKAPL	chr6:28227074-28228736	0.0202922	0	#NAME?	1
XLOC_018158	LOC554223	chr6:29758807-29765584	0.0556833	0	#NAME?	1
XLOC_018193	MCCD1	chr6:31496738-31514625	0.0347122	0	#NAME?	1
XLOC_018246	GGNBP1	chr6:33551475-33561115	0.0208792	0	#NAME?	1
XLOC_018283	TSPO2	chr6:41010236-41012076	0.0260755	0	#NAME?	1

XLOC_018459	FAM26F	chr6:116782532-116784934	0.134498	0	#NAME?	1
XLOC_018460	FAM26E	chr6:116817650-116880031	0.00929043	0	#NAME?	1
XLOC_018470	BRD7P3	chr6:118781934-119031238	0.0285178	0	#NAME?	1
XLOC_018471	PLN	chr6:118781934-119031238	0.00824026	0	#NAME?	1
XLOC_018477	FABP7	chr6:123100645-123105211	0.0156612	0	#NAME?	1
XLOC_018492	LAMA2	chr6:129204285-129837710	0.00571281	0	#NAME?	1
XLOC_018495	SMLR1	chr6:131148544-131158276	0.0117153	0	#NAME?	1
XLOC_018498	ENPP3	chr6:131958441-132068550	0.00409582	0	#NAME?	1
XLOC_018548	SUMO4	chr6:149639435-149732747	0.0263012	0	#NAME?	1
XLOC_018556	PLEKHG1	chr6:150920998-151164795	0.0066759	0	#NAME?	1
XLOC_018563	VIP	chr6:153071931-153080902	0.00855829	0	#NAME?	1
XLOC_018622	LOC100507194	chr6:3183051-3196001	0.0124069	0	#NAME?	1
XLOC_018753	PSORS1C3	chr6:31141511-31145676	0.0443515	0	#NAME?	1
XLOC_018760	NCR3	chr6:31553955-31560762	0.0503033	0	#NAME?	1
XLOC_018795	HLA-DRB6	chr6:32520489-32527779	0.0779028	0	#NAME?	1
XLOC_018834	CLPS	chr6:35762758-35765121	0.0646414	0	#NAME?	1
XLOC_018839	PXT1	chr6:36358328-36458315	0.0313468	0	#NAME?	1
XLOC_018863	TREM2	chr6:41126243-41130924	0.0385355	0	#NAME?	1
XLOC_018906	GPR110	chr6:46967812-47010082	0.0108941	0	#NAME?	1
XLOC_018957	OOEP	chr6:74078279-74079515	0.0669335	0	#NAME?	1
XLOC_018964	FILIP1	chr6:76017799-76203496	0.00606159	0	#NAME?	1
XLOC_018993	GABRR2	chr6:89966839-90025018	0.0177045	0	#NAME?	1
XLOC_019049	COL10A1	chr6:116421998-116566853	0.0196966	0	#NAME?	1
XLOC_019103	NHEG1	chr6:137303295-137314361	0.0176065	0	#NAME?	1
XLOC_019118	NMBR	chr6:142396744-142409936	0.0180303	0	#NAME?	1
XLOC_019124	LOC285740	chr6:143875466-143890471	0.0348514	0	#NAME?	1
XLOC_019174	PARK2	chr6:161768589-163745501	0.013477	0	#NAME?	1
XLOC_019200	TCTE3	chr6:170140214-170151638	0.0228854	0	#NAME?	1
XLOC_020347	AMZ1	chr7:2719162-2755069	0.00517109	0	#NAME?	1
XLOC_020376	SCIN	chr7:12610202-12693228	0.006007	0	#NAME?	1
XLOC_020386	ABC85	chr7:20655244-20796637	0.00363499	0	#NAME?	1
XLOC_020390	LOC100506178	chr7:22602955-22613617	0.00571133	0	#NAME?	1
XLOC_020537	FKBP6	chr7:72742154-72772641	0.0255147	0	#NAME?	1
XLOC_020585	CD36	chr7:80231503-80308593	0.00823761	0	#NAME?	1
XLOC_020636	AZGP1P1	chr7:99578384-99581860	0.0136503	0	#NAME?	1
XLOC_020669	COL26A1	chr7:101006121-101202304	0.00851912	0	#NAME?	1
XLOC_020712	CFLTR	chr7:117120016-117308711	0.00244621	0	#NAME?	1
XLOC_020721	ASB15	chr7:123249111-123277932	0.00535455	0	#NAME?	1
XLOC_020737	FAM71F1	chr7:128355442-128371797	0.0271583	0	#NAME?	1
XLOC_020779	TMEM213	chr7:138391038-138490761	0.00524629	0	#NAME?	1
XLOC_020791	WEE2	chr7:141404137-141438030	0.00527929	0	#NAME?	1
XLOC_020813	EPHA1-AS1	chr7:143078359-143220541	0.00512024	0	#NAME?	1
XLOC_020859	ABP1	chr7:150549564-150558371	0.00886542	0	#NAME?	1
XLOC_020881	LINC00244	chr7:156333184-156333791	0.0413569	0	#NAME?	1
XLOC_020912	MMD2	chr7:4931875-4998844	0.0384964	0	#NAME?	1
XLOC_020919	RNF216-IT1	chr7:5659671-5821361	0.103147	0	#NAME?	1
XLOC_020942	SOSTDC1	chr7:16501105-16505474	0.0102062	0	#NAME?	1
XLOC_021048	NACAD	chr7:45120035-45128493	0.00974079	0	#NAME?	1
XLOC_021117	LOC100093631	chr7:74601103-74653459	0.00944811	0	#NAME?	1
XLOC_021169	SGCE	chr7:94214535-94285521	0.00865182	0	#NAME?	1
XLOC_021194	CYP3A7,CYP3A7-CYP3AP1	chr7:99282301-99332819	0.0295487	0	#NAME?	1
XLOC_021196	OR2AE1	chr7:99473684-99474656	0.020499	0	#NAME?	1
XLOC_021219	ACTL6B	chr7:100240725-100254008	0.0133589	0	#NAME?	1
XLOC_021226	MOGAT3	chr7:100839012-100844302	0.0214589	0	#NAME?	1
XLOC_021258	SLC26A4-AS1	chr7:107296960-107358252	0.00422686	0	#NAME?	1
XLOC_021271	GPR85	chr7:112720467-112727832	0.0062094	0	#NAME?	1
XLOC_021278	ASZ1	chr7:117003275-117067571	0.0082622	0	#NAME?	1
XLOC_021296	GRM8	chr7:126078651-126892421	0.00847586	0	#NAME?	1
XLOC_021331	SLC13A4	chr7:135365986-135412932	0.00699828	0	#NAME?	1
XLOC_021356	PRSS37	chr7:141536077-141541221	0.0302323	0	#NAME?	1
XLOC_021364	KEL	chr7:142638200-142659502	0.0164875	0	#NAME?	1
XLOC_021375	OR2A20P,OR2A9P	chr7:143947563-143948691	0.0270449	0	#NAME?	1
XLOC_021390	ATP6V0E2-AS1	chr7:149564782-149577781	0.0129989	0	#NAME?	1
XLOC_021424	VIPR2	chr7:158820865-158937641	0.00531193	0	#NAME?	1
XLOC_021464	C8orf12,TDH	chr8:11197145-11324276	0.0551203	0	#NAME?	1
XLOC_021470	DEFB135	chr8:11839829-11842099	0.261123	0	#NAME?	1
XLOC_021514	LOC100507156	chr8:23154409-23261722	0.0073647	0	#NAME?	1
XLOC_021539	SMIM18	chr8:30436030-30515738	0.0203609	0	#NAME?	1
XLOC_021582	LOC100287846	chr8:48100929-48104439	0.0104548	0	#NAME?	1
XLOC_021600	FAM110B	chr8:58907112-59062277	0.00461813	0	#NAME?	1
XLOC_021615	DNAJC5B	chr8:66933790-67012755	0.0356675	0	#NAME?	1
XLOC_021704	BAALC	chr8:104145190-104242532	0.0061584	0	#NAME?	1
XLOC_021709	RIMS2	chr8:104512975-105266651	0.00403959	0	#NAME?	1
XLOC_021867	DEFB134	chr8:11851488-11853760	0.434834	0	#NAME?	1
XLOC_021899	DOK2	chr8:21766383-21771205	0.0161235	0	#NAME?	1
XLOC_021931	SCARA5	chr8:27727398-27850369	0.00491029	0	#NAME?	1
XLOC_021950	PURG	chr8:30853320-31031277	0.00866616	0	#NAME?	1
XLOC_021955	LOC728024	chr8:37594096-37615319	0.0202667	0	#NAME?	1
XLOC_021973	ANK1	chr8:41510743-41754280	0.00277727	0	#NAME?	1

XLOC_021977	DKK4	chr8:42231585-42234674	0.0247179	0	#NAME?	1
XLOC_021986	PXDNL	chr8:52232136-52722005	0.00335783	0	#NAME?	1
XLOC_021988	ST18	chr8:53023391-53322439	0.00231873	0	#NAME?	1
XLOC_021991	OPRK1	chr8:54138275-54164194	0.00711739	0	#NAME?	1
XLOC_022043	LOC100130301	chr8:74153658-74171737	0.0660487	0	#NAME?	1
XLOC_022080	DCAF4L2	chr8:88882970-88886296	0.00487454	0	#NAME?	1
XLOC_022105	GDF6	chr8:97154557-97173020	0.00523122	0	#NAME?	1
XLOC_022151	ENPP2	chr8:120569316-120651106	0.00683952	0	#NAME?	1
XLOC_022163	KLHL38	chr8:124657914-124665190	0.0216014	0	#NAME?	1
XLOC_022170	LOC100130231	chr8:126934766-126963447	0.00297938	0	#NAME?	1
XLOC_022179	ASAP1-IT1	chr8:131064350-131455906	0.0313474	0	#NAME?	1
XLOC_022184	HPYR1	chr8:133572744-133573726	0.0329231	0	#NAME?	1
XLOC_022195	KCNK9	chr8:140624803-140715295	0.0244683	0	#NAME?	1
XLOC_022208	LYNX1	chr8:143845755-143859640	0.0528866	0	#NAME?	1
XLOC_022277	MLANA	chr9:5890908-5909822	0.0207507	0	#NAME?	1
XLOC_022298	IFNA8	chr9:21409145-21410184	0.0175644	0	#NAME?	1
XLOC_022305	LOC100506422	chr9:26066672-26118406	0.0171219	0	#NAME?	1
XLOC_022342	HRIT2	chr9:35906188-35907138	0.0535883	0	#NAME?	1
XLOC_022343	LOC158376	chr9:35909479-35911617	0.028681	0	#NAME?	1
XLOC_022371	FAM27C	chr9:44990235-44991492	0.0333125	0	#NAME?	1
XLOC_022376	ANKRD20A1,ANKRD20A3	chr9:67926760-67970293	0.00399087	0	#NAME?	1
XLOC_022392	GDA	chr9:74729510-74867140	0.0083248	0	#NAME?	1
XLOC_022415	LOC100506834	chr9:89563612-89616948	0.00384976	0	#NAME?	1
XLOC_022424	NXNL2	chr9:91150015-91190704	0.0886032	0	#NAME?	1
XLOC_022425	C9orf47,S1PR3	chr9:91605777-91620069	0.00449393	0	#NAME?	1
XLOC_022499	ACTL7A	chr9:111624602-111626036	0.013836	0	#NAME?	1
XLOC_022521	ORM2	chr9:117092068-117095536	0.0232933	0	#NAME?	1
XLOC_022534	MORN5	chr9:124922189-124962367	0.074674	0	#NAME?	1
XLOC_022544	OR1L6	chr9:125512126-125513067	0.0253018	0	#NAME?	1
XLOC_022625	C9orf171	chr9:135285610-135448675	0.0746296	0	#NAME?	1
XLOC_022629	GF11B	chr9:135854097-135867084	0.0131459	0	#NAME?	1
XLOC_022657	PAEP	chr9:138453603-138458627	0.0492128	0	#NAME?	1
XLOC_022702	TUBBP5	chr9:141044564-141071887	0.0425276	0	#NAME?	1
XLOC_022726	FLJ41200	chr9:13406378-13431328	0.0069112	0	#NAME?	1
XLOC_022735	FAM154A	chr9:18927890-19033256	0.0103858	0	#NAME?	1
XLOC_022752	IFNA17	chr9:21227241-21228221	0.0164227	0	#NAME?	1
XLOC_022771	LINC00032	chr9:27245681-27282791	0.00496743	0	#NAME?	1
XLOC_022800	CNTFR	chr9:34551429-34590138	0.026488	0	#NAME?	1
XLOC_022866	FOXO4L5	chr9:70175706-70178815	0.0159167	0	#NAME?	1
XLOC_022877	LOC100507299	chr9:72658496-72873790	0.0216737	0	#NAME?	1
XLOC_022885	ALDH1A1	chr9:75515577-75568233	0.00704941	0	#NAME?	1
XLOC_022905	SLC28A3	chr9:86890764-86983413	0.00298567	0	#NAME?	1
XLOC_023047	STOM	chr9:124101265-124132587	0.00683907	0	#NAME?	1
XLOC_023068	NR5A1	chr9:127243514-127269695	0.00766747	0	#NAME?	1
XLOC_023111	C9orf50	chr9:132374503-132383057	0.0199852	0	#NAME?	1
XLOC_023183	FUT7	chr9:139901685-139931234	0.0233837	0	#NAME?	1
XLOC_023242	XG	chrX:2670092-2734541	0.00948243	0	#NAME?	1
XLOC_023246	CXorf28	chrX:3189860-3202694	0.0296681	0	#NAME?	1
XLOC_023307	MAGEB6	chrX:26210556-26213763	0.00935304	0	#NAME?	1
XLOC_023324	LANCL3	chrX:37430821-37536750	0.0104351	0	#NAME?	1
XLOC_023329	OTC	chrX:38211735-38280703	0.00924673	0	#NAME?	1
XLOC_023376	ERAS	chrX:48684922-48688279	0.0300675	0	#NAME?	1
XLOC_023392	PAGE4	chrX:49593905-49598570	0.0404265	0	#NAME?	1
XLOC_023442	HEPH	chrX:65382432-65487230	0.00335641	0	#NAME?	1
XLOC_023452	DGAT2L6	chrX:69397335-69425553	0.0204082	0	#NAME?	1
XLOC_023457	GDPD2	chrX:69642880-69653241	0.0282221	0	#NAME?	1
XLOC_023579	AGTR2	chrX:115301957-115306227	0.00484718	0	#NAME?	1
XLOC_023585	ZCCHC12	chrX:117957786-117960937	0.00880905	0	#NAME?	1
XLOC_023598	GLUD2	chrX:120181461-120183791	0.0298227	0	#NAME?	1
XLOC_023599	GRIA3	chrX:122318095-122624761	0.0216514	0	#NAME?	1
XLOC_023639	CD40LG	chrX:135730335-135742547	0.00958126	0	#NAME?	1
XLOC_023655	SLITRK2	chrX:144899346-144907361	0.00453242	0	#NAME?	1
XLOC_023668	MAMLD1	chrX:149531550-149682441	0.00462846	0	#NAME?	1
XLOC_023705	TKTL1	chrX:153524026-153558717	0.00644598	0	#NAME?	1
XLOC_023796	ZFX-AS1	chrX:24164341-24234372	0.0629026	0	#NAME?	1
XLOC_023809	FTH1P18	chrX:37060954-37061867	0.0635256	0	#NAME?	1
XLOC_023824	CXorf36	chrX:45007617-45060146	0.00359234	0	#NAME?	1
XLOC_023843	PCK1N	chrX:48689503-48694036	0.124055	0	#NAME?	1
XLOC_023898	SPIN2A	chrX:57162082-57164058	0.0295026	0	#NAME?	1
XLOC_023914	AWAT2	chrX:69260391-69269788	0.00934017	0	#NAME?	1
XLOC_023915	P2RY4	chrX:69478015-69479654	0.0407682	0	#NAME?	1
XLOC_023921	IL2RG	chrX:70327253-70331481	0.0208834	0	#NAME?	1
XLOC_023949	ZDHHC15	chrX:74588261-74743337	0.00225701	0	#NAME?	1
XLOC_024010	TEX13B	chrX:107224093-107225601	0.0169914	0	#NAME?	1
XLOC_024020	CAPN6	chrX:110488326-110513777	0.00406787	0	#NAME?	1
XLOC_024106	CT45A5	chrX:134945650-134953997	0.0112177	0	#NAME?	1
XLOC_024202	SMIM9	chrX:154051622-154062937	0.0207791	0	#NAME?	1
XLOC_024208	TMLHE-AS1	chrX:154576449-154603827	0.00922886	0	#NAME?	1
XLOC_024304	GYG2P1	chrY:14517914-14533389	0.028421	0	#NAME?	1

7hrs vs 1/2hr

gene	c5	c7	log2(fold_change)	q_value
LDHD	1.16223	1.49846	0.366581	0.736044
CYP4F35P	0.103307	0.155204	0.587225	1
NEAT1	22.5857	43.0927	0.932034	0.00134142
ANKRD20A12P	0.228543	0.401545	0.813098	0.3126
NRG4	0.18288	0.813411	2.15309	0.00134142
SYNPO	0.185765	0.183592	-0.0169775	1
ATP8A1	0.14823	0.0872658	-0.764346	1
CENPE	0.193499	0.650095	1.74833	0.00134142
MTRNR2L1	0.398709	0.381748	-0.0627138	0.989598
CA9	104.024	126.833	0.286021	0.488301
KIF17	0.332878	0.173866	-0.937014	1
AKAP9	0.343759	0.5542	0.689007	0.0587985
HR	0.470458	0.195337	-1.2681	0.0270114
PLXNB3	0.411198	0.309198	-0.411301	0.717812
LOC100190986	0.431032	0.883418	1.0353	0.0439989
MEGF6	0.43824	0.304891	-0.523429	0.474875
ID1	21.6917	56.8906	1.39104	0.00134142
LOC143666	0.698321	1.66428	1.25293	0.0167292
LOC284454,MIR24-2	5.14236	12.1948	1.24576	0.00134142
MGAT5B	1.54524	1.04068	-0.570298	0.271605
SMAD7	1.57974	0.88948	-0.828653	0.077181
ANKRD12	0.307884	0.390231	0.341943	0.620054
NAT16	1.13805	0.978725	-0.217595	0.89952
ZNF627	1.70313	1.8776	0.1407	0.922881
ID3	141.728	379.655	1.42157	0.00134142
SOX2-OT	0.768464	0.416535	-0.883538	0.0764532
AMT,NICN1	0.898547	0.981573	0.127501	0.946765
EPS8L2	0.949089	0.633637	-0.582886	0.458463
MIR155,MIR155HG	2.23158	4.87889	1.12849	0.0120701
CKB	3.79851	4.04772	0.0916777	0.9727
AHNAK2	0.650152	0.242966	-1.42002	0.00134142
DHDH	3.37443	2.99373	-0.172701	0.931471
DDIT4	81.5535	70.596	-0.20816	0.700075
ZNF792	0.638663	1.00918	0.660057	0.163218
PPP1R3E	0.863976	1.16078	0.426034	0.486205
SH3D21	3.2233	1.22642	-1.39408	0.00134142
FAM212A	5.14508	8.03672	0.643414	0.145048
ZNF484	0.5465	0.576534	0.0771855	0.978196
ARHGAP33	1.61558	1.05423	-0.615861	0.229047
XIST	3.15718	4.57715	0.535815	0.0515434
CLK1	14.1494	23.5925	0.737588	0.00425224
GOLGA4	1.435	3.2104	1.1617	0.00134142
OBSCN	0.525173	0.415985	-0.33626	0.595983
PIK3IP1	2.066	0.769317	-1.42519	0.00134142
GABBR1	2.43942	2.65534	0.122356	0.931733
PIM1	10.9827	15.3201	0.480189	0.124933
BRWD3	0.354879	0.344101	-0.0444933	0.986822
CAV1	7.78267	4.81998	-0.691239	0.0189207
NRBP2	7.27828	8.58287	0.237863	0.686445
MYLIP	3.2491	3.03836	-0.0967449	0.954907
LOC646329	11.7513	12.3693	0.0739402	0.961224
ATHL1	17.3742	19.7867	0.18759	0.766627
ITGA3	23.1558	33.9924	0.55384	0.042771
TGIF1	26.3485	44.9298	0.769952	0.00134142
BHLHE40	20.3029	37.4212	0.882171	0.00134142
CRIP2	20.5764	20.4084	-0.0118274	0.996453
ZMAT3	2.02147	3.20136	0.663276	0.0132924
PROSAP1P1	3.23607	3.86332	0.255601	0.678791
ITPR1	1.63853	0.534421	-1.61635	0.00134142
TMEM74B	10.2759	10.2107	-0.00918882	0.997036
MAN2C1	8.37533	9.12589	0.123819	0.917861
HSD17B14	18.3986	16.5704	-0.150984	0.879021
NDRG1	284.632	83.2733	-1.77317	0.00134142
S100A10	140.721	217.953	0.631179	0.0183825
LAMB2	9.74895	8.13896	-0.260401	0.579174
GOLGA8A	11.0735	10.9644	-0.0142815	0.994615
LRP1	4.81887	3.0107	-0.678598	0.00882987
COMMD6	49.7952	54.2861	0.124575	0.887701
HNRNPM	106.918	131.887	0.302808	0.441999
WARS	72.4734	41.0239	-0.820986	0.00134142
CYR61	317.53	67.3873	-2.23634	0.00134142
ZFP36	22.0116	20.0872	-0.131984	0.896032
ASNS	210.558	64.4503	-1.70796	0.00134142
DUSP2	42.0587	34.0944	-0.302869	0.446835
ITPRIP	10.2418	4.89048	-1.06642	0.00134142
FOSB	6.44844	4.2168	-0.612801	0.0481547

IER2	226.127	169.849	-0.412884	0.180085
ARRDC4	2.49025	3.68708	0.566189	0.0938606
TXNIP	65.595	55.323	-0.245706	0.619929
JUNB	64.8805	55.9924	-0.212554	0.698743
TFRC	21.9745	15.9999	-0.457763	0.181833
CLDN23	1.53162	1.07058	-0.516659	0.499391
EGR3	3.48212	2.73378	-0.349069	0.468622
CTGF	47.5376	4.85971	-3.29013	0.00134142
CXCL2	1.62607	0.473017	-1.78142	0.00743393
EGR2	0.557903	0.0653942	-3.09278	0.00134142
TERC	8.22856	1.79572	-2.19607	0.0162707
FOS	15.9207	5.32672	-1.57959	0.00134142
EGR1	73.8399	15.4166	-2.25992	0.00134142
GHRL	0.408319	0.14579	-1.48581	0.276007
C9orf24	0.393535	0.377197	-0.0611725	0.99351
RPS17	0	0	0	1
RPS17L	0.045967	2.18731	5.57242	0.664752
NBPF11_NBPF24	0.00445045	0.00793118	0.833585	1
LOC643401	0.014851	0.04425	1.57512	1
PNCK	0.0155999	0.00967254	-0.689567	1
RCAN2	0.00386438	0.013208	1.77311	1
PTTG2	0.0327484	0.296049	3.17634	1
SULF1	0.0021933	0.00310509	0.501534	1
EDA2R	0.00384456	0.0120605	1.64939	1
ZAP70	0.0112282	0.126674	3.49593	1
LOC100129924	0.0186049	0.0380286	1.0314	1
RCAN3AS	0.0669748	0.0983964	0.554987	1
FMR1-AS1	0.00535986	0.00564273	0.0741964	1
CCDC135	0.00585838	0.00854646	0.544825	1
ABLIM3	0.00360233	0.0075162	1.06107	1
CYP46A1	0.0111082	0.049902	2.16747	1
SCARNA18	1.57326	1.20856	-0.380464	1
PAGE2B	0.0347045	0.023704	-0.549989	1
OR7D2	0.0135913	0.00672873	-1.01427	1
RIMBP3C	0.00407098	0.0301019	2.8864	1
LOC100652739	0.0408278	0.0265122	-0.622892	1
HRH4	0.00389628	0.00653488	0.746064	1
OR2B6	0.0339073	0.123789	1.86822	1
KCNJ13	0.00378509	0.0175419	2.2124	1
PBOV1	0.00495075	0.0223915	2.17723	1
KLK15	0.01774	0.0422542	1.25209	1
LOC100499183	0.0132385	0.00833896	-0.666802	1
CPNE4	0.00544441	0.0220012	2.01473	1
CDKL5	0.00377583	0.0109827	1.54036	1
FER1L5	0.00481983	0.0169079	1.81064	1
LINC00173	0.108158	0	#NAME?	1
SLC2A14	0.00774462	0	#NAME?	1
NFAM1	0.00307833	0.0103338	1.74715	1
ZSCAN18	0.0118553	0.0516377	2.12289	1
LOC100128076	0.0293421	0.0408097	0.475939	1
DPY19L2P2	0.0033241	0.0216495	2.7033	1
WFDC10B	0.0310676	0	#NAME?	1
SNORA37	2.65905	12.8056	2.26779	0.790844
ZNF549	0.0059614	0.0186141	1.64267	1
MIR1248,SNORA81	3.60881	5.42869	0.589081	0.959465
LOC728228	0.0341372	0.297115	3.1216	1
LOC101059948	0.0465342	0.02884	-0.690217	1
CEND1	0.0305306	0.169409	2.47218	1
PRRT2	0.0180387	0.0747317	2.05063	1
ZNF843	0.0149764	0.00970171	-0.626384	1
SLC2A1-AS1	0.0308337	0	#NAME?	1
FAM35BP	0.00333269	0.00508589	0.609814	1
MUC5B	0.0085577	0.0182165	1.08995	1
ANO9	0.0232266	0.0745233	1.68192	1
LOC100272228	0.0241908	0.0527016	1.12339	1
CCRL1	0.00506426	0.0327569	2.69338	1
RUNX1T1	0.00177314	0.00510745	1.5263	1
SSPN	0.00284986	0	#NAME?	1
PDIA2	0.0279541	0.0482616	0.787817	1
FAS-AS1	0.00838623	0.0600874	2.84097	1
CCDC79	0.00451649	0	#NAME?	1
CNGA1	0.0119006	0.0172284	0.533757	1
C3orf14	0.0191168	0.0266102	0.477134	1
DCDC5	0.00241508	0	#NAME?	1
ZNF660	0.0102717	0.0118106	0.201401	1
RLN1	0.0163171	0.0114823	-0.506974	1
LOC100507557	0.00316045	0.00413647	0.388269	1
ALS2CR11	0.0018962	0	#NAME?	1
HHLA2	0.0047758	0.0189391	1.98755	1

GJC3	0.015859	0.0258649	0.705692	1
SPDYE8P	0.00489646	0.00413491	-0.243882	1
HEIH	0.0138895	0.0119718	-0.214357	1
ZNF569	0.00554479	0.0129086	1.21913	1
PRR26	0.0190744	0.0660104	1.79106	1
TIAM2	0.00758565	0.00647234	-0.228985	1
FNDC5	0.0149656	0.0669497	2.16143	1
LOC151475	0.00547539	0.0112025	1.03279	1
LINC00266-1	0.0256109	0.0434683	0.763206	1
HES2	0.00409994	0.00591507	0.528792	1
CECR5-AS1	0.0593429	0.261856	2.14163	1
LOC100506655	0.00556515	0.00441013	-0.335599	1
LINC00441	0.0290998	0.0339144	0.220889	1
EPO	0.0491043	0.274304	2.48185	1
ABCA4	0.00212363	0.0106492	2.32614	1
SULT2B1	0.0421174	0.0179166	-1.23312	1
TCF7L1	0.0238464	0.118704	2.31552	1
HIST1H2BI	0.0727927	0.365653	2.32861	0.70534
BTBD16	0.00856478	0.0061365	-0.481001	1
GAS6-AS1	0.0276366	0	#NAME?	1
CNGA4	0.0098859	0	#NAME?	1
CGB8	0.161862	0.394756	1.2862	0.530543
PSTPIP1	0.0123665	0.0269458	1.12362	1
CDO1	0.0163503	0	#NAME?	1
IRF7	0.014825	0.00959474	-0.627716	1
SH3RF3-AS1	0.0130701	0.0375875	1.52399	1
C3orf43	0.0353505	0.0825744	1.22396	1
ENTPD8	0.0562013	0.0455614	-0.302792	1
ZNF454	0.0120101	0.00491499	-1.28899	1
C20orf144	0.075069	0.0943911	0.330434	1
LOC400043	0.0314779	0.0610049	0.954589	1
GPR65	0.00267862	0.00539231	1.00941	1
PCDHB12	0.0270102	0.0336659	0.317783	1
TMEM212	0.0360727	0.0887252	1.29844	1
MUC20	0.0196831	0.0248531	0.336473	1
ARHGDI3	0.138291	0.132463	-0.062119	1
SMC1B	0.00503317	0.0155439	1.62681	1
DAND5	0.0418705	0.0538524	0.363078	1
WHAMMP2	0.0120326	0.00994749	-0.274538	1
FAM45B	0.0106284	0.0162903	0.616092	1
C1orf228	0.0534838	0.0707119	0.402852	1
FAT2	0.00471267	0.0236861	2.32943	1
GRAP	0.0189538	0.0199041	0.0705762	1
A1CF	0.00386109	0.00232225	-0.733482	1
HSP90AB4P	0.00910232	0.0714039	2.9717	1
LOC100129722	0.153152	0.106183	-0.528416	1
CGB7	0.34743	0.345849	-0.00657946	0.997082
GJA1	0.00388759	0.00322089	-0.271418	1
SCN2A	0.00137552	0.000913723	-0.590144	1
ZNF705A	0.00332755	0.00739227	1.15156	1
C10orf10	0.0338074	0.0399209	0.239807	1
NAP1L6	0.00703691	0.00505921	-0.47603	1
ABCA1	0.0120667	0.0119517	-0.0138124	1
MFAP5	0.00462773	0.01261	1.4462	1
GLIPR1L1	0.0159136	0	#NAME?	1
PA2G4P4	0.00441673	0.00589228	0.415848	1
CCDC3	0.00660019	0.00421541	-0.646835	1
HIST2H3D	0.197359	0.541892	1.45718	1
C8orf42	0.0163294	0.020835	0.351542	1
DHRS3	0.129189	0.0569271	-1.1823	1
NTRK2	0.00310578	0	#NAME?	1
FLJ13224	0.0650764	0.246875	1.92358	1
PSORS1C2	0.0381553	0.0120704	-1.66042	1
SLN	0.0217509	0.0721059	1.72904	1
LOC100129480	0.0139824	0.230416	4.04256	1
CA14	0.00829281	0.0129451	0.642471	1
WISP3	0.0105497	0.0299431	1.50502	1
LOC643770	0.0643648	0.0827629	0.362711	1
FLJ44511	0.0344646	0.0528987	0.618118	1
GNN	0.0140293	0.0138152	-0.0221868	1
FLJ37201	0.0176852	0.0399152	1.17439	1
SLC25A53	0.00482768	0.0358731	2.8935	1
COL6A6	0.00138855	0.0106086	2.93359	1
C3orf20	0.00534957	0.00681983	0.350312	1
APOC1P1	0.0308823	0.0366011	0.245108	1
LINC00535	0.0158801	0.0779412	2.29516	1
DCT	0.00599334	0.00929463	0.633037	1
INPP5D	0.0952766	0.124617	0.387304	1
FBP2	0.0135638	0.0403837	1.57402	1

LOC338817	0.0040417	0.00910269	1.17133	1
FAM20A	0.00345011	0.0184371	2.4179	1
PXMP4	0.00255985	0.00362984	0.503845	1
ERVV-1	0.00563646	0.0168329	1.57842	1
GSTM5	0.0539452	0.077723	0.526848	1
DZIP1	0.00352059	0.00254964	-0.46552	1
ZNF252P-AS1	0.0386588	0.188635	2.28673	1
PGM5P2	0.0409984	0.0959163	1.22621	1
LOC284080	0.0460773	0.0410966	-0.165037	1
CRYBA1	0.0198896	0.0525283	1.40108	1
PRH2	0.00382163	0.0093945	1.29763	1
KLHDC9	0.123899	0.0130522	-3.2468	1
PPP2R2C	0.00370926	0.0055069	0.570108	1
FLRT1	0.0271387	0.200217	2.88314	1
SH2D7	0.00928148	0	#NAME?	1
RPL34-AS1	0.00316335	0.00460892	0.542975	1
KLKB1	0.0159598	0.0231822	0.538569	1
HBBP1	0.0507055	0.187459	1.88636	1
KIAA1984	0.0528811	0.179306	1.7616	1
C9orf173	0.0501053	0	#NAME?	1
KCNV2	0.0226571	0.0376069	0.731036	1
KLK1	0.0443108	0.0138701	-1.67568	1
CACNA1G	0.00296406	0.0018211	-0.702766	1
TEX21P	0.0242606	0.0458007	0.916756	1
ABCC11	0.0103288	0.0127011	0.298279	1
FKBP1AP1	0.00999963	0.0296153	1.56639	1
LINC00264	0.0167028	0.0747094	2.1612	1
SNORA47	1.41399	0	#NAME?	1
PRG2	0.0222941	0.0386237	0.792826	1
TSSK4	0.0263721	0.0535422	1.02166	1
SLC35G6	0.0198852	0.0123397	-0.688388	1
SGK2	0.103491	0.127737	0.303669	1
LINC00035	0.175794	0.30552	0.797382	1
C4A,C4B_2	0.0033523	0.00458154	0.45068	1
LCN12	0.0785388	0	#NAME?	1
AIM1	0.00179332	0.00347118	0.952796	1
ANP32A-IT1	0.00414076	0.0306808	2.88937	1
PKD1L3	0.00250138	0.00744149	1.57287	1
TSPEAR	0.00537832	0.0226067	2.07152	1
LG14	0.00826873	0.0473872	2.51876	1
DNAI1	0.0115645	0.00465187	-1.31382	1
TIE1	0.0214681	0.0445499	1.05323	1
C11orf16	0.00876017	0.0427069	2.28544	1
CLUHP3	0.126687	0.428567	1.75825	0.0637115
SMO	0.0237534	0.0761621	1.68094	1
RBPMS2	0.0114737	0.00932436	-0.29925	1
IL34	0.0128006	0	#NAME?	1
EXOC3L1	0.00929447	0.0199809	1.10418	1
NWD1	0.00209022	0.00169137	-0.305457	1
C17orf47	0.00684039	0.0045904	-0.575457	1
SCUBE3	0.00311352	0.0223725	2.84511	1
SLC10A4	0.0090593	0.00733569	-0.304466	1
SMAD5-AS1	0.0315275	0.110753	1.81266	1
HOXA-AS3	0.0175848	0.0180446	0.0372383	1
LOC100129046	0.0109796	0.0360561	1.71542	1
CNTD2	0.0164414	0.130841	2.99241	1
VSIG1	0.00432731	0.0167278	1.95071	1
FAM151A	0.0946897	0.11241	0.247486	1
FAM228A	0.0526944	0.0573568	0.122313	1
LINC00239	0.0682361	0.0716168	0.0697636	1
ECM2	0.00837471	0.0302318	1.85196	1
TAS2R14	0.0624537	0.0988574	0.662561	1
RASSF2	0.00256997	0.00636161	1.30764	1
CA7	0.0137462	0.018066	0.394241	1
RTN1	0.00985853	0.00824998	-0.256983	1
CSAG1	0.027027	0.0612728	1.18085	1
MYOZ3	0.00881171	0.0207845	1.23802	1
ST14	0.00740992	0.00988986	0.416493	1
ZMIZ1-AS1	0.0210977	0	#NAME?	1
FLNC	0.0222135	0.0382589	0.784359	1
GIMAP1,GIMAP1-GIMAP5,C	0.00338365	0	#NAME?	1
SNORA8	11.031	22.2198	1.01028	0.532841
GVINP1	0.00391185	0.00708654	0.857229	1
VWA8-AS1	0.0116094	0.0251195	1.11351	1
CES4A	0.00855152	0	#NAME?	1
PTGS1	0.00576689	0.0138289	1.26182	1
LOC643201	0.0123077	0.0225654	0.874556	1
GALNT3	0.00718912	0.00771135	0.101169	1
ABHD12B	0.0183897	0.0187633	0.0290094	1

SNORA52	8.36614	18.2498	1.12524	0.917379
LOC643669	0.137596	0.223435	0.699413	1
C1orf204,VSIG8	0.0439069	0.0460424	0.0685159	1
LOC100287036	0.0436435	0.0120109	-1.86142	1
NRIP2	0.0580183	0.0845015	0.542469	1
KRTAP5-10	0.0475412	0.107757	1.18053	1
TMEM191C	0.220229	0.375134	0.768402	0.76964
FAM182B	0.031522	0.126018	1.99921	1
AATK	0.201108	0.427351	1.08745	0.889019
GOLGA8I	0.0152085	0.0376468	1.30765	1
TEX29	0.246355	0.274514	0.156141	1
AIRN	0.0115205	0.0280741	1.28504	1
RAB33A	0.0538197	0.0918487	0.771125	1
B3GNT7	0.0534618	0.0635178	0.248654	1
LOC100505716	0.0244425	0.011687	-1.06448	1
ACY3	0.0379777	0.0542367	0.514116	1
TET1	0.00380669	0.0010273	-1.88968	1
TEX19	0.161084	0.128522	-0.325788	1
PRSS56	0.105055	0.0392432	-1.42064	1
PTPRVP	0.00940848	0.00703677	-0.419049	1
CCDC64B	0.0912299	0.179667	0.977745	1
LINC00640	0.0474941	0.0299123	-0.667011	1
CRX	0.0142802	0.051759	1.85779	1
SPATA9	0.0212149	0.0359681	0.76164	1
CDH23	0.0129698	0.0142872	0.139573	1
EFCAB5	0.0125551	0.012444	-0.0128191	1
SUSD5	0.0107525	0.0234424	1.12445	1
NBPF11,NBPF24	0.00511451	0.0149488	1.54736	1
FUT3	0.0211944	0.027258	0.362998	1
HIST1H2BO	0.598288	1.33374	1.15656	0.437764
DEGS2	0.0435869	0.0193417	-1.17218	1
C6orf195	0.0493979	0.133164	1.43069	1
LOC728558	0.00984755	0.00885776	-0.152823	1
CLDN7	0.0588431	0.101667	0.788904	1
EBF3	0.0198245	0.0612474	1.62736	1
ZNF790-AS1	0.0264864	0.0346222	0.386443	1
ASCL5	0.193182	0.274139	0.504951	1
GATM-AS1	0.0325061	0.0882371	1.44067	1
ANKRD1	0.146577	0.0318982	-2.20012	1
FUT8-AS1	0.0573339	0.0677782	0.241432	1
DENND2D	0.0129656	0.00618237	-1.06846	1
GLIS1	0.0193293	0	#NAME?	1
LOC440461	0.0400023	0.0466809	0.222749	1
FOXI3	0.0554201	0.210888	1.928	1
COLEC10	0.0226577	0.0114199	-0.988452	1
TMEM132B	0.00325322	0	#NAME?	1
MRPL23-AS1	0.0236114	0.0102125	-1.20914	1
TRPV6	0.0126312	0.00861947	-0.55132	1
KCNJ4	0.0287952	0.0723613	1.32939	1
NREP	0.0289268	0.0137049	-1.07772	1
SPON2	0.192145	0.40661	1.08145	0.288993
BARHL1	0.0412045	0.0678077	0.718647	1
LOC100129617	0.0241627	0.0969287	2.00414	1
LINC00222	0.0238994	0.0112812	-1.08305	1
TAF7L	0.0372189	0.0823176	1.14517	1
ALDH3B1	0.0245368	0.0703794	1.5202	1
RBM44	0.0453212	0.0536826	0.244269	1
RBFOX3	0.0188811	0.0997359	2.40117	1
PRSS8	0.147947	0.096543	-0.615835	1
FRMD6-AS1	0.14232	0.272434	0.936766	1
CASS4	0.0112504	0.0235766	1.06738	1
PROZ	0.093787	0.172069	0.875524	1
TNFSF15	0.00184852	0.00423882	1.1973	1
CDH3	0.0698489	0.0222423	-1.65093	1
SLC22A31	0.0297783	0.0669172	1.16811	1
GPR18	0.0103196	0.0275245	1.41533	1
GIMAP2	0.0245409	0.0055336	-2.1489	1
TMEM59L	0.0480968	0.0590821	0.29678	1
C21orf62	0.00316367	0.0240933	2.92896	1
FDPSSL2A	0.0137793	0.0136997	-0.00836204	1
LOC100507489	0.0404032	0.00354906	-3.50896	1
CYBRD1	0.00596573	0.0116969	0.971356	1
NLRP14	0.00297963	0.0169494	2.50803	1
LOC100506195	0.0130857	0.0347947	1.41087	1
PPEF2	0.0264472	0.037672	0.51038	1
MARCH1	0.0915409	0.118569	0.373234	1
LGALS4	0.0831797	0.0708525	-0.231412	1
FP588	0.0767351	0.0388564	-0.981736	1
JAKMIP3	0.0661349	0.0346272	-0.933505	1

CCDC81	0.0267808	0.0867375	1.69546	1
LOC100128770	0.0362667	0.070114	0.951056	1
LOC285626	0.00907916	0	#NAME?	1
TAT	0.00535364	0	#NAME?	1
LOC100129138	0.0673839	0.214494	1.67046	1
LOC100505839	0.00699732	0.00586798	-0.253939	1
SYNDIG1L	0.0348986	0.0360165	0.045487	1
LOC100505841	0.27149	0.218272	-0.314767	1
AGSK1.LOC727849	0.0229269	0.00766534	-1.58062	1
ATOH8	0.0153861	0.00760088	-1.01739	1
LOC401242	0.00538508	0	#NAME?	1
TMEM178A	0.0868955	0.0279257	-1.63769	1
HNRNPA3P1	0.00347432	0.00485158	0.481723	1
LOC440311	0.100819	0.0790457	-0.351009	1
C1orf220	0.0426512	0.0723682	0.76277	1
ST8SIA1	0.00114403	0.00266744	1.22133	1
CXXC4	0.00233238	0.0014541	-0.681672	1
EBLN2	0.0298733	0.0494304	0.72654	1
DNAJB13	0.0397497	0.00972134	-2.03172	1
ARTN	0.128429	0.0889694	-0.529589	1
APOBEC3G	0.00828239	0	#NAME?	1
PTENP1	0.00306072	0.00213607	-0.518913	1
SERPINC1	0.0190913	0.0481991	1.33609	1
HSPA6	0.288992	1.03828	1.84509	0.00743393
GABBR2	0.00566994	0.00203337	-1.47946	1
C1orf210	0.0136139	0	#NAME?	1
STL	0.0174658	0.0228278	0.386265	1
C22orf43	0.0629554	0.211817	1.75042	1
TULP1	0.042855	0.131581	1.61842	1
LOC100652772	0.00375529	0	#NAME?	1
C12orf69	0.0171049	0.0355554	1.05566	1
RNF165	0.103135	0.216142	1.06745	1
GJB7	0.00591259	0.00349876	-0.756946	1
PADI3	0.00492749	0.00628604	0.351299	1
JAZF1-AS1	0.0255576	0.0365695	0.516889	1
LOC728392	0.301741	0.123268	-1.29151	1
GPR157	0.163008	0.0740984	-1.13743	1
TUBB1	0.0571543	0.194499	1.76683	1
C6orf123	0.0106189	0.0303531	1.51521	1
EFHD1	0.0648084	0.118903	0.875528	1
PRUNE2	0.000910397	0.000576684	-0.658713	1
RS1	0.00502521	0.0290384	2.53071	1
MYO15B	0.234397	0.0755715	-1.63304	1
BCRP3	0.131232	0.398446	1.60227	0.305208
TIPARP-AS1	0.166514	0.130008	-0.357042	1
BEAN1	0.112006	0.111075	-0.012039	1
PMFBP1	0.0454248	0.0301576	-0.590956	1
BTK	0.00518844	0.00348487	-0.574196	1
GPM6B	0.00444568	0.0373146	3.06926	1
NRON	0.00521368	0.0145901	1.48461	1
LOC648691	0.00432838	0	#NAME?	1
SLC9A9	0.00745925	0.00249252	-1.58143	1
RNF144A-AS1	0.00576441	0.00365	-0.659278	1
KCNH8	0.0230344	0.0066903	-1.78365	1
TP73-AS1	0.00576124	0	#NAME?	1
PCDHGB8P	0.00756031	0	#NAME?	1
LOC653653	0.025867	0.0412895	0.674664	1
DNAH2	0.00221085	0.00141642	-0.642356	1
FBXO17	0.0168964	0.0133409	-0.340854	1
EMX2OS	0.00182953	0	#NAME?	1
RHD	0.0497336	0.0706874	0.507233	1
XKRX	0.0153236	0.0106579	-0.523827	1
POM121L9P	0.00644922	0.0370556	2.5225	1
TAS2R5	0.141194	0.202235	0.518348	1
GGTLC2	0.0291379	0.0255286	-0.19078	1
MIR1291,SNORA34	1.33455	2.99979	1.1685	0.923433
LOC284276	0.0074885	0.0226925	1.59947	1
KRTDAP	0.355046	1.37463	1.95296	0.137269
CC2D2B	0.00691582	0.00891166	0.365794	1
CD33	0.0436719	0.0466224	0.0943158	1
ACSM3	0.157683	0.0849664	-0.892067	1
NOMO3	0.0104418	0.0191617	0.875848	1
TRIM31	0.0147503	0.01635	0.148554	1
VTN	0.023808	0.00752477	-1.66173	1
CYP3A43	0.00625138	0	#NAME?	1
LAIR2	0.641706	0.778796	0.279334	0.937187
GUSBP9	0.033327	0.0574785	0.78633	1
GIMAP6	0.00811008	0.00250417	-1.69538	1
ITGB4	0.00379488	0.00667053	0.813746	1

KPNA7	0.0104562	0	#NAME?	1
TLX2	0.016225	0	#NAME?	1
LOC100506343	0.0153537	0.0100207	-0.615612	1
SNORA45	1.69475	3.41436	1.01054	0.931471
ABCA9	0.00370236	0.00390355	0.076345	1
CHRN2	0.00606562	0.0131912	1.12085	1
EIF1B-AS1	0.0410148	0.0205736	-0.995352	1
MPZL2	0.00449176	0.0158643	1.82043	1
LOC145837	0.0311942	0.00471752	-2.72518	1
SOX2	0.0321518	0.0323457	0.00867445	1
MEGF11	0.00980153	0.0370081	1.91676	1
SNORA49	1.88351	0	#NAME?	1
FUT5	0.0349607	0.00850757	-2.03892	1
CSTF3-AS1	0.00826819	0	#NAME?	1
P2RX6	0.00679576	0.0111811	0.718358	1
HP07349	2.00929	3.89317	0.954258	0.33045
GLUD1P3	0.156192	0.398226	1.35027	0.0685498
SNORA2B	1.60684	0	#NAME?	1
RIPK4	0.016127	0.0238021	0.561617	1
NEXN	0.00683669	0.0192241	1.49154	1
LOC728175	0.00734673	0	#NAME?	1
ADPGK-AS1	0.0282206	0.0964428	1.77293	1
LINC00854	0.0150201	0.0602378	2.00377	1
SLC9A3	0.190559	0.165249	-0.205598	1
C16orf71	0.0473961	0.108885	1.19996	1
CHST6	0.0135948	0.0349199	1.36099	1
RFPL1-AS1	0.00265981	0.00212644	-0.322886	1
SLC4A1	0.0101075	0.00514147	-0.975169	1
LOC100128288	0.0177146	0.0291456	0.718342	1
LOC643723	0.00779347	0.00546431	-0.512225	1
PRPH2	0.010225	0.00781994	-0.386872	1
M1AP	0.0118299	0.0182529	0.625681	1
TMEM89	0.0627225	0.0848027	0.435127	1
ACSL5	0.0117457	0.0398787	1.76349	1
MLLT4-AS1	0.0886946	0.0564206	-0.652624	1
GPR52	0.00958806	0.00670703	-0.515564	1
SERPINB7	0.0394093	0.0414037	0.0712221	1
ZNF154	0.0266737	0.0355217	0.413285	1
TRIM15	0.00971687	0	#NAME?	1
SERPING1	0.0274435	0.0201461	-0.445967	1
PPM1E	0.0074234	0.0180397	1.28102	1
CACNA1B	0.00378957	0.00540371	0.511914	1
TNFRSF1B	0.00504819	0.0183235	1.85986	1
CMYA5	0.000884597	0.0094495	3.41715	1
RIPPLY1	0.0306416	0.0829478	1.43671	1
CHRNA	0.00918391	0.0363669	1.98545	1
SLC35G5	0.0375608	0.251786	2.7449	1
ARL4C	0.0992058	0.0703632	-0.495604	1
LOC399753	0.06331	0.199896	1.65875	1
OR10V2P	0.0280129	0	#NAME?	1
GRIK1	0.00478165	0.0128756	1.42906	1
DIP2A-IT1	0.044616	0.194324	2.12283	1
CCDC13	0.00586873	0.0123166	1.06948	1
PHEX	0.00453239	0.0169613	1.9039	1
BOK-AS1	0.0310609	0	#NAME?	1
SLC22A3	0.00451228	0.00380695	-0.245223	1
INSL3	0.0346993	0.0741211	1.09498	1
MAOA	0.00513229	0.00576639	0.168066	1
TNFRSF10C	0.706373	0.503936	-0.487191	0.765317
SPATA4	0.0115304	0	#NAME?	1
GBP2	0.00459995	0.00681209	0.56648	1
TMC8	0.0903203	0.0593394	-0.60606	1
COL6A4P1	0.0378605	0.0142629	-1.40843	1
HIST1H3A	0.232596	0.266264	0.195031	1
LOC100288123	0.111083	0.093508	-0.248477	1
HLA-DRB5	0.0317052	0.013125	-1.2724	1
SNX31	0.0113843	0.0072354	-0.653898	1
CHRND	0.0129127	0	#NAME?	1
TRIM17	0.021772	0.0186107	-0.226344	1
DGCR9	0.0210017	0.0276941	0.399072	1
AZGP1	0.0360652	0.0558341	0.63054	1
C9orf139	0.00576912	0.00352697	-0.709921	1
GGTLC1	0.0222096	0	#NAME?	1
GPR156	0.00327983	0.0146918	2.16332	1
CETN4P	0.19666	0.172196	-0.191649	1
TSC22D1-AS1	0.0746033	0.131637	0.819252	1
RRAD	0.339696	0.436213	0.36079	0.913628
LINC00311	0.0294395	0.396587	3.75181	0.245718
C1orf145	0.321888	0.316804	-0.0229693	1

LINC00520	0.0730364	0.0762664	0.062432	1
LOC100506804	0.105444	0.132332	0.327673	1
CACNA1D	0.00567968	0.0158605	1.48156	1
TEKT5	0.0241762	0.0309073	0.354358	1
COLEC11	0.304922	0.598946	0.973986	0.14869
ZBTB32	0.0552415	0.0863573	0.644565	1
DSC3	0.00171	0.00804735	2.23452	1
SDCBP2-AS1	0.123341	0.124186	0.00985449	1
CYP3A5	0.0440616	0.0959979	1.12348	1
C9orf84	0.00239778	0.00157915	-0.602554	1
DUOXA1	0.0137137	0	#NAME?	1
LOC100507564	0.104009	0.0996685	-0.0614998	1
C15orf55	0.00418786	0.0103983	1.31206	1
SAG	0.0092867	0.0138725	0.578995	1
C1orf229	0.219687	0.390315	0.829192	0.550662
PLGLB2	0.00416614	0.00276933	-0.589172	1
LOC151171	0.00759629	0.00653894	-0.216238	1
CPM	0.00957292	0.0161381	0.753438	1
ADAM32	0.0046115	0.0194864	2.07916	1
HLTF	0.0369927	0.0603843	0.706933	1
HIST1H2AK	0.157292	0.384706	1.29031	1
ANKRD45	0.00515065	0	#NAME?	1
LCN10	0.00876043	0.00763557	-0.198265	1
PTPRN	0.0625939	0.0171483	-1.86795	1
GNRHR	0.002026	0.00668531	1.72236	1
ST6GALNAC2	0.0781825	0.170218	1.12246	1
LINC00665	0.0523802	0.0593576	0.180413	1
DLEU7-AS1	0.00756419	0	#NAME?	1
RASA4CP	0.0978093	0.0137446	-2.8311	1
LOC100270804	0.223677	0.211967	-0.0775783	1
ZNF287	0.00265247	0.00156666	-0.759645	1
PLA2G1B	0.0402022	0.0861867	1.10019	1
ERN1	0.0892715	0.202764	1.18353	1
LOC100129055	0.0568065	0.0279062	-1.02547	1
PCBP3	0.00982057	0.0133867	0.446926	1
A1BG	0.20201	0.144604	-0.482316	1
CEP290	0.278037	0.453536	0.705939	0.612206
PSCA	0.367071	0.155382	-1.24024	0.75767
TRIM46	0.0470488	0.0145662	-1.69154	1
CSF1R	0.00452215	0.00272916	-0.728555	1
CDRT15P1	0.17208	0.511707	1.57224	0.216539
LOC150197	0.0989825	0.284267	1.522	1
MF12-AS1	1.4256	2.75007	0.947902	0.950929
SNORD89	4.09483	12.7454	1.6381	0.804197
HOMER2	0.112304	0.0979808	-0.19684	1
SLC34A3	0.0142545	0.0101219	-0.493941	1
SLC9A4	0.0354395	0.0710377	1.00323	1
CBR3-AS1	0.49843	0.37028	-0.428775	0.952216
KCP	0.0109798	0.00807098	-0.444041	1
LCE1F	0.0880229	0.132279	0.587632	1
C11orf52,HSPB2	0.027219	0.023513	-0.211153	1
CPAMD8	0.00349569	0	#NAME?	1
HIST1H3F	1.15247	1.66194	0.528139	0.817504
L1TD1	0.012912	0.0162262	0.32961	1
DOC2GP	0.0615813	0.0972273	0.658869	1
IGFL4	0.0376384	0.0318945	-0.238897	1
HOXA2	0.128577	0.240477	0.903265	1
UBE2Q2P1	0.0973606	0.0799573	-0.284107	1
PRMT8	0.497154	0.852841	0.778584	0.217352
PRF1	0.0422916	0.0217949	-0.956382	1
CD27	0.138861	0.12293	-0.175802	1
BMP2	0.0148144	0.0104901	-0.497962	1
SEMA3B	0.373667	0.174345	-1.09981	0.259261
SCNN1A	0.490085	0.183649	-1.41608	0.868024
LINC00273	0.0320417	0.0769822	1.26457	1
CD8A	0.0290332	0.0195552	-0.570152	1
CSMD2	0.010292	0.0153548	0.577167	1
GNG4	0.0182458	0.0116289	-0.649844	1
UNC5B-AS1	1.07068	0.445264	-1.26579	0.937187
ST7-OT4	0.0795363	0.0441688	-0.848586	1
C4orf22	1.14721	0.731217	-0.649762	0.445443
ZNF483	0.125635	0.177683	0.50007	1
CLDN9	0.136527	0.182017	0.414888	1
DEFB136	0.20058	0	#NAME?	1
LOC100506394	0.155338	0.118442	-0.39122	1
TNFRSF9	0.00676616	0.058955	3.1232	1
LRRC19	0.00941607	0.0131985	0.487183	1
KATNAL2	0.067716	0.13048	0.946258	1
SYT12	0.0113971	0.00813252	-0.486891	1

PCDHB15	0.0595994	0.0505702	-0.23701	1
C1QTNF6	0.496991	0.182939	-1.44186	0.126367
RHOU	0.160943	0.306276	0.928284	1
GUSBP3	0.0544279	0.0447012	-0.284031	1
LOC101101776	0.0645569	0.110749	0.778646	1
NAALADL1	0.0447108	0.0154443	-1.53355	1
FUT2	0.108964	0.302794	1.47449	1
NEDD9	0.0142362	0	#NAME?	1
CTSO	0.124989	0.155101	0.311408	1
OR13J1	0.0257622	0	#NAME?	1
TTC9B	0.854899	0.543428	-0.653665	0.764271
PI3	0.0409865	0.213966	2.38416	1
RGAG1	0.00255572	0	#NAME?	1
C16orf86	0.251884	0.200382	-0.330002	1
ANKRD20A5P	0.0429288	0.0371939	-0.206879	1
SARDH	0.229569	0.130029	-0.820095	1
GSG1L	0.0133316	0.00745591	-0.838398	1
TRIML2	0.239013	0.43121	0.851305	0.453868
SLC11A1	0.113566	0.2089	0.879285	1
CD96	0.0109332	0.0151446	0.470087	1
PATL2	0.107335	0.0367579	-1.54599	1
RNF43	0.0240165	0.00696263	-1.78632	1
PDE2A	0.0458276	0.0384458	-0.253392	1
ARHGAP4	0.131412	0.327088	1.31558	1
TBC1D26	0.0855275	0.0613321	-0.479746	1
DSG3	0.00660684	0.0267785	2.01905	1
TMEM255A	0.0213966	0.00894748	-1.25783	1
DRP2	0.0161228	0.0226698	0.491673	1
ABCA17P	0.0815883	0.110695	0.440152	1
UNC13A	0.0078059	0.0153928	0.97962	1
EBF4	0.435437	0.457567	0.0715187	0.987693
PIN4P1	0.0167817	0.0334024	0.993062	1
BSN	0.0220381	0.0209965	-0.0698505	1
LEP	0.0113246	0.0098773	-0.19727	1
ZSCAN10	0.0152485	0	#NAME?	1
CCDC154	0.175068	0.236899	0.436353	1
CARD14	0.0699968	0.0894592	0.353941	1
ZMAT1	0.0528962	0.0164611	-1.6841	1
LRRD1	0.0207428	0.0465737	1.16691	1
TNXB	0.0198139	0.00123536	-4.00351	1
AGBL2	0.0200457	0.0050785	-1.98082	1
COX6B2	0.309696	0.286761	-0.111005	1
MATN1	0.0419432	0.0945576	1.17275	1
DPYSL4	0.0341412	0.0337457	-0.0168091	1
SSPO	0.0111153	0.00845537	-0.394603	1
RIMBP3	0.0352301	0.0378145	0.10213	1
TC2N	0.00907286	0.00139527	-2.70102	1
SMIM1	3.65409	3.11562	-0.229996	0.920028
JAM2	0.0323218	0.0462778	0.517813	1
TMEM217	0.10134	0.212094	1.0655	1
OAS1	0.00998344	0	#NAME?	1
WNT4	0.198381	0.136179	-0.542764	1
GRAMD1B	0.0250522	0.00880627	-1.50834	1
MAP1A	0.052182	0.0359527	-0.537454	1
FLJ35390	0.452543	0.478852	0.0815237	0.990857
OVGP1	0.561487	1.30412	1.21575	0.00818401
ACVR1C	0.0069959	0.00260866	-1.4232	1
RASAL2-AS1	0.0562611	0.04549	-0.306588	1
LOC286467	0.498413	0.603142	0.275156	0.841266
STRC	0.062224	0.0618805	-0.00798672	1
TIGD1	1.11951	1.95745	0.806114	0.129875
CBX3P2	0.263097	0.0637813	-2.04439	1
SH3GL1P2	0.0587949	0.0736001	0.324015	1
VN1R1	0.179644	0.537312	1.58062	0.049309
DNM1P41	0.170927	0.212018	0.3108	1
ZNF233	0.229075	0.226202	-0.0182111	1
DPY19L2	0.00580129	0.00201623	-1.52472	1
PROM2	0.13386	0.256183	0.936451	1
DNM3	0.0109511	0.00610457	-0.843113	1
C1orf74	0.943508	1.49663	0.665611	0.272575
MGC45922	0.131173	0.0576345	-1.18646	1
MT1DP	3.02305	3.03096	0.00376807	0.998951
NAPA-AS1	1.92719	1.91138	-0.0118805	0.985921
TMEM191A	0.505414	0.725407	0.521326	0.642142
TMEM27	0.181977	0.0901918	-1.01269	1
FMO4	0.26282	0.104598	-1.32922	1
APOL4	0.012294	0.0272939	1.15062	1
ZNF614	0.0959466	0.104276	0.120104	1
LOC100289230	0.251747	0.485362	0.947084	0.245718

SAMD11	0.935982	0.22266	-2.07164	0.806888
AQP8	0.0685906	0.134695	0.973609	1
LOC100130093	0.389574	0.792666	1.02481	0.940075
ADAMTS2	0.0556526	0.0549063	-0.0194758	1
MFSD7	0.160717	0.24306	0.596794	1
CCDC114	0.0694246	0.0172657	-2.00754	1
EFEMP2	1.28222	0.353492	-1.8589	0.763069
LAMB2P1	0.496183	0.248076	-1.00009	0.233215
TRPC1	0.0790313	0.0363572	-1.12018	1
CACNA2D2	0.0972846	0.157018	0.690646	1
RINL	0.590715	0.23417	-1.3349	0.0240561
LIPT2	1.30105	1.11743	-0.219496	0.940893
BAI1	0.320439	0.0876673	-1.86994	1
IGIP	0.54732	0.533605	-0.0366125	0.992768
HS3ST3B1	0.196453	0.188429	-0.0601669	1
PYGM	0.0462964	0.0907971	0.971744	1
ZNF880	0.0150828	0.0193441	0.358992	1
ATP8B4	0.0167274	0.00895402	-0.901608	1
MT1JP	0.950594	2.22437	1.2265	0.2895
SMIM5	0.0319041	0.0138129	-1.20772	1
MTRNR2L10	0.898685	1.06601	0.246327	0.890533
TAS2R20	0.166388	0.293414	0.818383	1
LOC391322	1.31715	1.56112	0.245162	0.944284
LOC339874	0.113341	0.040398	-1.48832	1
ENDOU	0.0179856	0.00855962	-1.07122	1
LOC100271836	0.0390433	0.0562104	0.525762	1
NPHS1	0.0400641	0.0167201	-1.26072	1
RASGEF1B	0.0424545	0.0110213	-1.94562	1
CARNS1	0.0366165	0.177803	2.27972	1
A2M-AS1	0.0891037	0.0651794	-0.45107	1
GPR124	0.0491202	0.065073	0.405741	1
PAN3-AS1	0.433109	1.08531	1.3253	0.652768
ADCY5	0.0135294	0.0283642	1.06797	1
ALG1L9P	0.09781	0.180418	0.883289	1
ZNF487P	0.228389	0.240156	0.0724752	1
CYP2C18	0.010731	0.0344249	1.68167	1
HAPLN3	0.47046	0.450033	-0.064044	0.991678
LOC441242	0.0378494	0.0782294	1.04744	1
L3MBTL1	0.128389	0.270268	1.07387	1
LOC100288432	0.623362	0.570778	-0.12714	0.985921
LOC100507547	1.53402	1.0369	-0.56504	0.940075
CSDC2	0.035865	0.0114097	-1.65231	1
PHKA2-AS1	0.0454708	0.127284	1.48504	1
ZNF649	0.0837907	0.215144	1.36044	1
ADTRP	0.183707	0.212306	0.208739	1
TCEA2	0.0488092	0.0117495	-2.05455	1
TYRP1	0.0127121	0.00291295	-2.12564	1
WDR63	0.0328002	0.0324107	-0.0172348	1
AGAP7	0.220151	0.23355	0.085233	1
RAET1L	0.0390775	0	#NAME?	1
LOC100294362	0.0490749	0.213464	2.12094	1
LOC653712	0.0949639	0.0682571	-0.476401	1
LOC100506136	0.0404869	0.0800662	0.983737	1
MYO1H	0.0061811	0.00448341	-0.463269	1
REN	0.0362533	0.0200138	-0.857118	1
LINC00202-1	0.0723219	0.138768	0.940173	1
MAPK15	2.09494	2.84163	0.43981	0.521303
ALOX12	0.0226666	0.0329324	0.538943	1
INTS4L2	0.0348828	0.0307385	-0.182468	1
CTAGE7P	0.0311039	0.0689904	1.1493	1
GPFR	0.0895243	0.0644567	-0.47395	1
LINC00515	0.0903064	0.244355	1.43608	1
DUSP15	0.165654	0	#NAME?	1
MST1	1.12451	0.513067	-1.13207	0.066512
CNIH2	0.315083	0.406959	0.369153	0.893315
ARSI	0.028748	0.0671088	1.22304	1
NEURL1B	0.20651	0.145185	-0.508315	1
MFSD4	0.0419356	0.0374574	-0.162926	1
RNF138P1	0.0201113	0.0146605	-0.456072	1
LOC100302640	0.094545	0.052974	-0.835716	1
PRORS1P	0.383895	0.264291	-0.538584	0.608559
DKFZP434A062	0.0116678	0.0205906	0.819453	1
FBXL13	0.0614724	0.0572792	-0.101926	1
RIMS1	0.0732512	0.0267821	-1.45158	1
C1R	0.378264	0.220206	-0.780536	0.397773
ZNF572	0.793241	0.960994	0.276768	0.763641
SNAI3	1.5711	1.72824	0.137524	0.973348
STAG3L3	0.185531	0.552884	1.57532	0.0539552
C8G	0.164843	0.618335	1.9073	0.288546

ACOT4	0.0399975	0.0473526	0.243532	1
MAP7D2	0.0245469	0.0289064	0.235848	1
FEZF1	0.169497	0.0871948	-0.958943	1
SNORA71A	4.52398	14.2124	1.65149	0.843126
FAM226A	0.34638	0.444659	0.360342	0.82129
MTRNR2L6	0.524368	0.439106	-0.256013	0.903723
SLX4IP	0.172498	0.207722	0.268075	1
CNBD2	0.0684331	0.0468899	-0.545416	1
DNAJC9-AS1	0.0186272	0.0196725	0.0787677	1
ST7-AS1	3.14568	1.49728	-1.07103	0.535022
CAPS	1.27914	0.851062	-0.587835	0.967445
GRIN2C	0.118313	0.169749	0.520798	1
SYCP2	0.0257549	0.00886586	-1.53852	1
HEATR4	0.0202887	0.0140548	-0.529615	1
GAS1	0.419281	0.73098	0.801913	0.253547
S100A4	0.49517	1.00008	1.01411	0.397773
LOC286367	0.346731	0.456186	0.395805	0.671358
DAW1	0.0414386	0.015601	-1.40934	1
LOC100134368	0.191168	0.148979	-0.35973	1
ATP2C2	0.0266713	0.0368458	0.466215	1
TMEM91	3.91462	3.8807	-0.0125564	0.997342
NELL2	0.0076488	0	#NAME?	1
FBXO43	0.0733479	0.035806	-1.03455	1
LINC00282	0.0169673	0.00925673	-0.874186	1
TYRO3P	0.0428828	0.0133145	-1.6874	1
GPR162	3.11796	2.26028	-0.4641	0.454825
NTN5	0.371227	0.621128	0.742588	0.909016
LOC254128	0.953458	1.25388	0.395161	0.972421
LOC646471	0.172045	0.11748	-0.550374	1
SPRY1	1.23384	3.23294	1.38969	0.00134142
LOC400752	0.493641	0.414264	-0.252913	0.926446
ZNF554	0.771616	0.740567	-0.0592522	0.984917
ATOH7	0.120701	0.128334	0.0884683	1
MARK2P9	0.0321015	0.0644346	1.00519	1
LINC00102	0.0196906	0	#NAME?	1
PCDHB18	0.0219031	0.00680828	-1.68577	1
KRTAP4-8	0.243388	0.306876	0.334398	1
PDE4B	0.711055	0.409651	-0.795568	0.0920155
KRT79	0.2104	0.541034	1.36259	0.070203
DENND6B	1.75887	1.59127	-0.144464	0.950929
TTN-AS1	0.116386	0.095209	-0.289748	1
HOTAIR	0.326212	0.412261	0.337749	0.949812
BMP3	0.0391276	0.0212032	-0.883904	1
LINC00514	0.172419	0.242681	0.493145	1
MAP2K4P1	0.00977856	0.00409805	-1.25469	1
CLEC4A	0.369734	0.889041	1.26576	0.0704662
COL1A1	0.0617957	0.0272884	-1.17922	1
USH2A	0.00122056	0.00493054	2.0142	1
LOC100288911	6.2711	5.22844	-0.262339	0.821849
GPR143	0.0235584	0.0160447	-0.554141	1
VSTM4	0.00422192	0.00661688	0.648252	1
MID1	0.0299871	0.0062113	-2.27137	1
LOC728323	0.170137	0.188893	0.150873	1
LOC284260	0.0430742	0.00625961	-2.78268	1
TBX15	0.00797725	0.00573772	-0.475415	1
ANKRD26	0.143506	0.213655	0.574167	1
C3	0.012988	0.0264648	1.02689	1
LINC00663	0.998954	0.78184	-0.353545	0.717812
XYLT1	0.00339239	0.00481686	0.505788	1
COL17A1	0.00569539	0.0118808	1.06077	1
ARHGAP30	0.0309856	0.0165827	-0.901922	1
LRRN3	0.0065244	0.00221983	-1.5554	1
C6orf164	0.0758063	0.0614039	-0.303989	1
ZNF774	0.292271	0.315661	0.111071	1
ZNF555	0.288538	0.347373	0.267727	1
UBA7	0.121594	0.20484	0.752424	1
ARMC12	0.204276	0.18096	-0.174842	1
TAS2R4	0.038222	0.096037	1.32919	1
CDH4	0.0284734	0.0411583	0.531567	1
DNAJB7	0.137464	0.140442	0.0309216	1
SKIDA1	0.112414	0.151672	0.432131	1
C1orf192	0.0459215	0.0704036	0.61648	1
HCG27	0.227148	0.156064	-0.541497	1
ZPLD1	0.00998687	0.00201579	-2.30868	1
SMPD3	0.231349	0.264765	0.194639	1
RNF222	0.0121662	0.0200072	0.717637	1
CYP2E1	1.21464	1.8407	0.599726	0.294485
ZNF461	0.284196	0.396145	0.479142	0.604298
LOC440354	0.191474	0.23413	0.290161	1

HSF2BP	0.712318	0.648317	-0.135822	0.96115
LPAL2	0.165136	0.167668	0.0219514	1
LOC100289137	1.66356	2.80009	0.7512	0.0504457
TMCC3	0.00438915	0.00539208	0.296898	1
HLF	0.0385384	0.0623883	0.694979	1
C2orf82	3.31845	3.22741	-0.0401301	0.99351
SERPINF2	0.0929807	0.156711	0.753106	1
ZNF582	0.0198461	0.00710934	-1.48107	1
LOC100630918	1.22473	2.02904	0.728327	0.239863
GPRC5D	0.307326	0.225086	-0.449295	1
MORF4L2-AS1	0.0904227	0.0475951	-0.925872	1
TRIM58	0.0178842	0.0161119	-0.150559	1
DPEP1	0.24632	0.243603	-0.0160028	1
STARD9	0.263523	0.479336	0.863112	0.0172978
AGPHD1	2.02259	1.60684	-0.331978	0.784181
MYLK	0.0101799	0.011143	0.130413	1
ZNF546	0.17879	0.239969	0.424582	1
GPT	0.211832	0.69478	1.71364	0.0761023
SPATA12	0.0578653	0.0120006	-2.26959	1
SEPT14	0.00635243	0	#NAME?	1
ANXA9	0.274716	0.174495	-0.654752	1
TBC1D3	0.145121	0.145698	0.00572458	1
SYCP2L	0.0874615	0.0254573	-1.78057	1
MRGPRX3	0.0946339	0.145507	0.620663	1
C3orf35	0.151049	0.20339	0.429233	1
CCDC155	0.0155989	0.0364915	1.22611	1
ZNF467	0.943046	0.587673	-0.682314	0.553031
PGBD4	0.344745	0.328029	-0.0717066	1
TMEM173	0.0351317	0.0944404	1.42663	1
SNORA3	4.36506	2.89868	-0.590608	0.961224
HBA2	0.408287	0.503686	0.302942	0.961551
PFKFB1	0.0846872	0.0899291	0.0866437	1
RAET1K	1.25237	2.60279	1.0554	0.00818401
RGPD8	0.0422346	0.029743	-0.505875	1
TMPRSS13	0.00523706	0.00871838	0.735302	1
IDUA	2.39189	2.76846	0.210934	0.922312
NGG12-AS1	0.0366611	0.00870297	-2.07467	1
IL1R1	0.00742	0.00965522	0.37989	1
LOC100132354	0.0142835	0	#NAME?	1
HCG25	0.192332	0.0524846	-1.87363	1
TAPT1-AS1	0.173146	0.0441285	-1.97221	1
ARMCX1	0.0507743	0.0519608	0.033326	1
LOC144486	0.110064	0.121184	0.138863	1
SLC43A3	0.133418	0.215433	0.691287	1
PBX1	0.166639	0.0361909	-2.20303	1
ZNF701	0.0995512	0.1069	0.102753	1
NOS1AP	0.19556	0.21242	0.119314	1
RPPH1	28.7177	51.5808	0.844897	0.021138
MSLN	0.026205	0.0207461	-0.337003	1
SYTL2	0.489942	0.202626	-1.27379	0.0167292
USH1C	0.0543742	0.0415787	-0.387078	1
C14orf182	0.0264539	0.0273854	0.0499237	1
PARVG	0.0822783	0.0845624	0.0395045	1
BHLHB9	0.109972	0.223989	1.02629	1
CD79A	0.623725	0.78492	0.331636	0.852548
UNC5CL	0.395989	0.224211	-0.820601	0.302567
SEPT4	0.280694	0.138475	-1.01937	1
C17orf98	0.161703	0.515029	1.67131	0.407592
IL1A	0.0208412	0.0169867	-0.295033	1
ADAMTS13	2.3682	1.53994	-0.620915	0.936256
HSD17B13	0.057775	0.0357274	-0.693416	1
CSAD	1.33855	1.8397	0.458801	0.931471
LINC00313	0.0810374	0	#NAME?	1
PPFIA4	0.063336	0.099819	0.656287	1
DDIT3	72.3132	20.386	-1.82668	0.00593755
FLJ36777	0.0119736	0.0325671	1.44356	1
LHB	0.982796	1.28376	0.385416	0.898711
C14orf28	0.870371	0.519644	-0.744108	0.130554
PCDH12	0.0121173	0.0436772	1.84982	1
PLVAP	0.0172956	0.0107745	-0.68279	1
PTCH2	0.185576	0.437619	1.23767	0.0710419
ANKRD18DP	0.072204	0.0948875	0.39414	1
STX11	0.160645	0.226629	0.496457	1
CATSPERG	0.114192	0.113007	-0.0150474	1
STARD13-AS	0.0491681	0.0194958	-1.33456	1
SMAD6	0.643606	0.253633	-1.34344	0.16034
C9orf96	0.0876293	0.163956	0.903825	1
LRIT3	0.0613131	0.142737	1.21909	1
GDF9	0.069955	0.0293803	-1.25158	1

EQTN	0.0369261	0.0493885	0.419534	1
DRD4	1.27186	2.19333	0.786175	0.390589
GSDMB	1.24115	1.86926	0.590785	0.293986
CRYAB	0.142418	0.175882	0.304483	1
SDR9C7	0.0179748	0.0074913	-1.26269	1
DICER1-AS1	2.02996	1.02182	-0.990307	0.130354
ZKSCAN4	1.08613	1.92335	0.824428	0.0504457
TRIM52	1.1683	1.39395	0.25477	0.812079
FAM41C	0.326635	0.546984	0.743819	0.37244
ZNF540	0.123021	0.319572	1.37724	1
COL20A1	0.0115038	0.010087	-0.189618	1
FONG	0.793049	0.862427	0.120993	0.979701
STARD4-AS1	0.00898332	0.0128315	0.514365	1
NAPSA	0.0582092	0	#NAME?	1
GPIHBP1	0.0520612	0.0353803	-0.557264	1
LOC100129726	0.022737	0.0566874	1.31799	1
FAM46C	0.213354	0.0898588	-1.24752	1
ANKRD36B	0.236432	0.204413	-0.209938	1
KIAA1683	0.0206417	0.0425664	1.04415	1
SEMA7A	0.185469	0.263485	0.50654	1
BAIAP3	1.23949	1.23573	-0.00437943	0.999427
ALDH8A1	0.0823627	0.232497	1.49715	1
CASB	0.546563	0.379363	-0.526808	0.536951
LOC554206	0.539118	0.538191	-0.00248217	0.998227
ZC3H6	0.0960739	0.0159509	-2.59051	1
CLIP3	0.221762	0.110723	-1.00205	1
ZNF552	1.07108	1.65622	0.628832	0.159615
KCNE2	0.178441	0.200217	0.166119	1
FAM46A	0.339226	0.640887	0.917821	0.0318033
ZNF786	1.98434	3.38427	0.770185	0.030165
PLCB2	0.138552	0.276044	0.994465	1
KLF11	1.35006	1.36202	0.0127283	0.996453
CA3	0.397358	0.294577	-0.431792	0.7741
PTCHD4	0.0845818	0.0793869	-0.091446	1
C19orf59	0.0219192	0.0311101	0.50519	1
TMC4	0.348636	0.488667	0.487132	0.737265
LOC441081	0.141265	0.215818	0.61141	1
ARL17A,ARL17B	0.161772	0.348499	1.10719	0.669766
EFCAB12	0.0657302	0.0927869	0.497366	1
CSTA	0.356104	0.281068	-0.341381	0.918342
MATN1-AS1	0.81014	0.552061	-0.553342	0.620126
SPDEF	0.0271156	0.0716239	1.40132	1
IRS1	0.386923	0.568775	0.555812	0.251616
ZNF425	0.369016	0.339205	-0.121526	0.970346
FBXW12	0.0466021	0.0779051	0.741322	1
ABCC2	0.0922019	0.125105	0.440268	1
PLAC4	0.0529286	0.141827	1.42201	1
NT5E	0.652612	0.595295	-0.132621	0.950929
C12orf39	0.0726438	0	#NAME?	1
WDR27	0.907026	0.82252	-0.141094	0.950408
LRRC17	0.040627	0.0452406	0.155179	1
ZNF763	0.479695	0.379071	-0.33965	0.762909
RHBDL1	1.39992	2.90135	1.05137	0.0601893
NTRK1	0.0374628	0.0527026	0.492415	1
MSTO2P	0.177651	0.366094	1.04317	0.88211
TAS2R19	0.0511841	0.0482033	-0.0865634	1
ZNF610	0.0251972	0.0123926	-1.02379	1
FBXL8,HSF4	6.73287	7.68693	0.191187	0.898291
NIPSNAP3B	0.318646	0.358197	0.168798	0.961432
BMF	0.274139	0.280425	0.0327042	1
C3orf72	0.0078304	0.0242391	1.63018	1
CABYR	0.419334	0.748579	0.836052	0.241341
SEC31B	0.35096	0.425873	0.279118	0.830817
LOC100506801	0.0569263	0.0357115	-0.672706	1
AP4B1-AS1	0.0161307	0.0701282	2.12018	1
ACAP1	0.44971	0.437664	-0.0391711	0.993379
VMAC	0.764314	0.566649	-0.431711	0.751467
PCDHGA1,PCDHGA10,PCD	4.66157	3.21793	-0.534684	0.193192
PXN-AS1	1.79018	1.95099	0.124097	0.994978
PNMA2	0.0087145	0.00407733	-1.09579	1
KLF9	1.06476	0.489371	-1.12153	0.00425224
IL21R-AS1	0.0424865	0.0666174	0.648894	1
CTF1	0.336213	0.212737	-0.660304	1
PPAPDC3	0.209962	0.125382	-0.743801	1
HIST1H4J	0.707267	2.51646	1.83107	0.211048
C21orf90	0.666754	0.619738	-0.105498	0.981753
BACE1-AS	0.545354	0.583289	0.0970155	0.991767
PLCH2	0.0443705	0.0288424	-0.621411	1
IFNE	0.0501076	0.0846913	0.757186	1

ACTA2	1.91007	2.55681	0.42072	0.825067
GSTM2	0.104142	0.0334476	-1.63857	1
LINC00460	0.456726	0.329229	-0.472237	0.821039
MIR4763,MIRLET7A3,MIRLI	0.521611	1.26835	1.2819	0.266383
OR2H2	0.146169	0.307609	1.07347	1
LOC283038	0.0367679	0.0179526	-1.03426	1
KGFLP2	0.10305	0.0975672	-0.0788767	1
SHROOM3	0.00938127	0.015525	0.726741	1
SLC16A8	0.0447568	0	#NAME?	1
ZNF737	0.463886	0.357917	-0.374142	0.545862
DNAH5	0.0139939	0.0120956	-0.210321	1
SPTBN4	0.107508	0.0590483	-0.86448	1
GK3P	0.0305213	0.0116967	-1.38372	1
SPNS2	0.766897	0.411719	-0.897371	0.911553
ZNF708	0.726903	0.800673	0.139451	0.933625
NEK10	0.0136744	0.01975	0.530373	1
LOC148709	0.205614	0.201298	-0.0306096	1
AGPAT4-IT1	0.019529	0.00683232	-1.51517	1
KIF20B	0.693759	1.08884	0.650279	0.0715857
AKR7L	1.24194	2.24718	0.855517	0.0292254
APLN	2.80378	2.66879	-0.0711871	0.976198
EXD3	1.47942	1.54331	0.0609898	0.985921
C1QTNF4	0.426633	0.395515	-0.109266	0.989344
LOC100131726	0.0719995	0.117195	0.702854	1
TRIM45	0.295406	0.377075	0.352151	0.772137
HYAL1	0.0333031	0.0830768	1.31879	1
LOC100130275	1.58706	1.66534	0.0694595	0.99351
FMN1	0.0489298	0.0601606	0.298105	1
KCNIP4	0.159362	0.272717	0.775099	1
PDZD7	1.5427	1.00463	-0.618797	0.948923
FOSL2	3.77347	2.72392	-0.470204	0.27405
ZNF582-AS1	0.0244975	0.0474063	0.952441	1
ADAMTS6	0.031377	0.00558405	-2.49032	1
SLC25A5-AS1	0.277173	0.235649	-0.234148	1
C7orf10	0.289318	0.27488	-0.0738529	1
CLCF1	3.79952	6.84078	0.848346	0.304428
MYO7A	0.115565	0.114284	-0.0160783	1
LINC00115	1.22224	3.09051	1.33832	0.00743393
TMEM163	0.0185243	0.141776	2.93613	1
SPDYE1	0.0855892	0.110406	0.367315	1
RGS17	0.0356956	0.00720527	-2.30862	1
LOC100506123	0.467915	0.7464	0.673701	0.222647
KLHL30	0.0257257	0.032842	0.352328	1
FAM110D	0.428221	0.923745	1.10914	0.241608
MYO1G	0.0129434	0.0322368	1.3165	1
FAAH2	0.642093	0.327524	-0.971179	0.112939
LOC100505738,MIR4458	2.13451	2.8997	0.441999	0.447444
CCDC96	0.419446	0.820331	0.967721	0.967534
CNFN	3.40527	4.08976	0.264248	0.906464
LRRRC3-AS1	0.0512105	0.0486276	-0.0746627	1
ZNF788	0.0469485	0.0403868	-0.217194	1
CCR9	0.012311	0.00500444	-1.29866	1
HCN2	0.0429704	0.0519444	0.273624	1
WBSCR28	0.0490816	0.016916	-1.5368	1
ZNF586	0.345957	0.292228	-0.243499	1
MLK7-AS1	0.0310405	0.0397763	0.357759	1
PROCA1	0.603684	0.289328	-1.06109	0.255652
GALR3	0.900715	0.711415	-0.34038	0.922006
SLC6A16	0.172022	0.170641	-0.011622	1
LOC100652999	0.0930794	0.105597	0.182033	1
C18orf56	5.43062	3.37151	-0.687725	0.954559
TCEANC	0.20132	0.0855849	-1.23406	1
SHBG	0.459106	0.589555	0.3608	0.966946
BREA2	0.38843	0.48681	0.325705	0.918116
DCST2	0.0839926	0.0722464	-0.217336	1
KLHDC1	0.0450262	0.0248148	-0.859562	1
TCTEX1D4	0.0450197	0.047233	0.0692375	1
N4BP2L2-IT2	0.196098	0.317094	0.69334	1
FLJ43663	3.34994	2.9975	-0.160378	0.897241
SP5	0.690684	0.679727	-0.0230704	0.996453
EFCAB13	0.0249543	0.0327056	0.390248	1
TSPY26P	0.0445573	0	#NAME?	1
LOC338799	1.865	1.45545	-0.357715	0.728031
C1S	0.251116	0.326574	0.379056	1
CCDC30	0.0291325	0.0152409	-0.934683	1
TMEM139	0.0577239	0.0217243	-1.40986	1
COL5A1	0.00978645	0.00883143	-0.148138	1
PITPNM3	0.130459	0.194065	0.572935	1
THAP8	2.62636	1.2242	-1.10122	0.0172978

HK3	0.0142601	0.0536698	1.91213	1
C17orf67	1.07616	1.93898	0.849404	0.0539552
CLK4	2.94994	4.13207	0.486181	0.206979
DLGAP1-AS1	1.55949	0.91388	-0.771002	0.265804
RDH16	0.16736	0.172251	0.0415593	1
GIPR	0.390104	0.188152	-1.05196	0.34222
POU5F2	0.0313531	0.0308353	-0.0240255	1
TNFRSF13C	0.981352	0.610751	-0.684187	0.620631
CTAGE6P	0.0404703	0.0362677	-0.158179	1
CRYM-AS1	0.130845	0.231946	0.825933	1
LOC400680	0.363397	0.478153	0.395923	0.646918
C5	0.239798	0.134212	-0.837306	1
ATP6V0E2	0.0200135	0.0287415	0.522162	1
CNDP1	0.0477049	0.0522528	0.131371	1
GOLGA7B	0.126952	0.0984777	-0.366419	1
RAB3A	1.48528	2.43303	0.712019	0.19894
ESR2	0.0425948	0.0641759	0.591355	1
GAPDHS	0.157358	0.266611	0.760684	1
LPXN	0.920309	0.591827	-0.636943	0.348416
ZNF599	0.205134	0.338817	0.723939	1
FAM66C	0.0257652	0.016942	-0.60482	1
DOCK3	0.0259495	0.037687	0.538363	1
LOC100129518	0.176171	0.188677	0.0989482	1
F3	2.05114	1.98703	-0.0458134	0.986822
LAG3	0.0744012	0.0660669	-0.171398	1
ZNF785	0.77902	1.78956	1.19987	0.0101293
ZNF10	1.5464	2.10055	0.441849	0.277658
FIBCD1	3.71227	4.61693	0.31463	0.629687
TBXAS1	0.170709	0.180823	0.0830369	1
ADIRF_AGAP11	34.8988	46.2207	0.405363	0.325375
NTF4	0.954064	0.460495	-1.0509	0.29804
TFAP2C	0.306958	0.374577	0.287218	0.872961
DERL3	1.13079	0.936938	-0.271312	0.984481
ZNF284	0.497216	0.801822	0.68941	0.241177
ZNF773	0.728298	0.52002	-0.485962	0.540336
TEC	0.681817	0.580866	-0.231179	0.852548
GOLGA6L9	0.12559	0.149244	0.248955	1
LOC100130691	0.0762348	0.0254657	-1.58189	1
PBX4	0.984568	0.887147	-0.150318	0.959465
FAM8A1	0.904797	1.44377	0.674178	0.0715857
LOC202781	5.62151	5.57002	-0.0132755	0.996014
PRELP	0.0060138	0.00384588	-0.644382	1
LOC730668	0.0384196	0.0277382	-0.469971	1
TBC1D30	0.0586843	0.0283277	-1.05076	1
FGF8	0.75716	1.4419	0.929299	0.295409
LOC100133445	1.07703	0.718384	-0.584233	0.931471
BCCL2L11	1.67305	2.68683	0.683424	0.0511722
WDR93	0.0299633	0.0260875	-0.19984	1
TMEM151B	0.0424514	0.0279729	-0.601782	1
LOC654433	2.52494	3.35775	0.411248	0.805942
TTC21A	0.1754	0.0743231	-1.23877	1
ZNF700	2.56949	3.15456	0.295959	0.595511
CELLF5	0.25939	0.329501	0.345161	1
WDR66	0.0951193	0.182893	0.94319	1
HSD17B7P2	0.552399	0.617959	0.1618	0.958814
DNAH1	0.115125	0.173595	0.592523	1
ACSF2	4.58437	4.11545	-0.155673	0.893663
SBSPPON	0.204885	0.517332	1.33628	0.0150729
TNNC1	0.380788	0.2084	-0.869634	0.663064
CCDC80	1.07598	0.598613	-0.845949	0.0370005
ACTL10	1.76584	3.03184	0.779844	0.859569
RAD9B	0.31849	0.1867	-0.770523	1
TRAPPC6A	22.6526	21.7103	-0.0612933	0.979484
GAMT	0.171537	0.0221204	-2.95507	1
FCRLB	0.261542	0.447973	0.776371	0.557674
LOC646214	0.150994	0.184546	0.289485	1
C16orf62	0.0239527	0.0680121	1.5056	1
POU2F2	0.0658127	0.17018	1.37063	1
LOC100505695	2.55578	0.896954	-1.51066	0.00509212
TCEA3	0.0281027	0.0207929	-0.434619	1
BMS1P5	0.146011	0.146519	0.00501281	1
PCDHB11	0.197255	0.0588906	-1.74395	1
SLC26A7	0.00643737	0.0028374	-1.1819	1
FLJ12825	0.104546	0.0905974	-0.206589	1
SMIM14	1.26215	0.364918	-1.79023	0.196063
TRIM74	0.414218	0.496952	0.262715	0.931822
LOC100128750	0.450974	0.310078	-0.540412	0.984772
CDRT1	0.0478526	0.0114882	-2.05844	1
ANKK1	0.134134	0.084094	-0.673603	1

CDH15	0.467508	0.557792	0.254736	0.913628
LOC645638	0.10064	0.127854	0.3453	1
ZNF440	1.74843	2.23342	0.353195	0.463889
DKFZP434I0714	0.630151	0.725876	0.204026	0.894319
PLCD1	2.84739	1.78003	-0.677735	0.101849
LOC100216546	0.110722	0.151037	0.447964	1
REPS2	0.329367	0.12677	-1.37748	1
PKD1L2	0.0646434	0	#NAME?	1
CELSR3	0.751927	0.918274	0.288333	0.893315
FHIT	10.1045	9.49234	-0.0901644	0.961224
KCNQ1OT1	0.046904	0.0658982	0.490528	1
KRT17	0.26471	0.399942	0.59538	0.711382
MTMR9LP	2.02891	1.13556	-0.837302	0.103533
LINC00852	0.645834	1.43536	-1.15218	0.871957
C21orf15	0.256554	0.22237	-0.206302	1
ZNF460	0.287752	0.288298	0.00273541	1
NOXA1	5.55177	2.13117	-1.3813	0.00134142
MAPRE3	0.850906	0.823589	-0.0470767	0.990857
C19orf45	0.570572	0.23197	-1.29847	0.194841
GARNL3	1.01903	1.28029	0.329275	0.654693
LOC283174	0.644939	1.91927	1.57332	0.00134142
STXBP5L	0.00728487	0.0134571	0.885396	1
C7orf29	11.4061	18.742	0.716472	0.147239
EDARADD	0.58256	0.779221	0.419627	0.602221
MSS51	0.458038	0.444619	-0.0428974	0.991767
SNORA18	33.4979	42.6772	0.349395	0.919029
DNAH11	0.00424999	0.00521097	0.294091	1
LOC729683	0.551987	0.748766	0.439881	0.717587
GPR4	0.0195116	0.00951028	-1.03677	1
RGS11	8.00031	6.72244	-0.251071	0.703191
HOXA3	0.407841	0.394641	-0.0474663	0.991767
KLF7	0.0115747	0.00548564	-1.07725	1
SNORA9	8.05271	5.97011	-0.431716	0.979733
SLC6A12	0.0889262	0.0408108	-1.12366	1
LOC440900	0.10856	0.14257	0.393172	1
BEST4	0.0906866	0.0433564	-1.06465	1
PTN	0.159546	0.0461147	-1.79068	1
DNM1P35	0.170553	0.0598708	-1.5103	1
NUDT14	27.8139	33.5468	0.27037	0.638558
LDHC	0.0636157	0.0826182	0.377075	1
MAGI2	0.271434	0.145421	-0.900368	1
FLJ42351	0.653742	0.293412	-1.15579	0.493716
CCT6P3	2.26557	3.28662	0.53673	0.18287
CYP4F11	0.0789231	0.046006	-0.778624	1
CPQ	6.05454	5.43485	-0.155779	0.87816
SCGB1B2P	0.409908	0.48498	0.242626	0.967901
PRSS27	1.06439	0.330158	-1.6888	0.0601893
RBM43	0.947788	0.434256	-1.12602	0.0139368
DMRT1	0.0319056	0.00655193	-2.28382	1
OCLM	0.0782289	0.100938	0.367702	1
IGFALS	0.12966	0.120941	-0.100432	1
IGSF22	0.0317769	0.00953929	-1.73602	1
TFAP2A	2.60042	3.8184	0.554223	0.157488
ZNF2	0.941939	1.41368	0.585747	0.186826
PRSS36	0.254844	0.242946	-0.0689817	1
ANXA2R	2.58997	2.23131	-0.215041	0.895818
ZNF79	2.91268	4.63583	0.670482	0.0757506
PDXDC2P	1.93404	2.54257	0.39467	0.389311
ZNF250	1.08131	1.38243	0.354432	0.462141
ZNF619	0.426974	0.353714	-0.271563	0.830384
INTU	0.515643	0.194497	-1.40663	0.00743393
SUGT1P3,TPTE2P5	0.229041	0.218534	-0.0677477	1
LYPD3	0.647098	0.416569	-0.635428	0.554478
MURC	0.143529	0.205874	0.520418	1
REM2	0.209555	0.3089	0.559815	1
HRK	1.53248	1.10762	-0.468407	0.597004
CMPK2	0.294577	0.34119	0.211929	1
NPIPL3	2.53992	3.65641	0.525645	0.208938
GTF2IRD2B	0.0500363	0.0398096	-0.32986	1
FLJ45340	3.10784	2.55364	-0.28336	0.548694
IFIT2	0.0862643	0.0693667	-0.314521	1
WDR52	0.17114	0.157343	-0.121263	1
KDM5B-AS1	17.93	9.97809	-0.845544	0.0377654
ATRX	1.00843	1.48767	0.560936	0.0882057
SYNM	0.00672861	0.00822866	0.290349	1
SNORA80B	5.1738	7.49526	0.534755	0.980177
PLXNB1	3.55952	4.85109	0.446628	0.182485
ZNRF2P1	0.475267	0.634459	0.416786	0.778996
DBP	11.8756	9.86214	-0.268034	0.695206

CDC42EP5	14.4175	14.2188	-0.0200255	0.995302
LOC91450	0.0689773	0.612647	3.15086	0.294917
CCDC170	0.0187392	0.00316683	-2.56495	1
AKD1	0.426314	0.380395	-0.164418	0.948088
FRMPD1	0.0121876	0.00412295	-1.56366	1
FAM229A	2.31325	2.672	0.208	0.952896
ZNF543	0.396358	0.402185	0.0210532	0.995709
AK8	0.547797	0.407535	-0.426717	0.756805
MALL	0.0182026	0.0264427	0.538729	1
TMEM191B	1.3377	1.71205	0.355969	0.835119
ZMYND12	0.151893	0.0780074	-0.961372	1
NAALAD2	0.0638505	0.40254	2.65636	0.00337323
HY1	16.9104	19.9264	0.236774	0.828589
GSTT2	0.799352	2.03222	1.34615	0.0240561
SRPX2	0.0397659	0	#NAME?	1
SPATC1	0.0738667	0.225054	1.60728	1
CCT6P1	2.34862	2.87909	0.293799	0.690479
TP53TG5	0.399889	0.319322	-0.324587	0.986822
STARD5	1.23966	1.11989	-0.146583	0.957891
BRCA2	0.106811	0.108706	0.0253703	1
ZNF493	0.763465	1.04102	0.447363	0.633749
TIGD3	1.98913	2.04181	0.0377136	0.990994
VAMP1	2.80932	4.69728	0.741604	0.208452
ZNF823	1.21716	1.92186	0.658991	0.123328
SNED1	0.323792	0.301237	-0.104169	1
ZNF566	1.16984	1.51996	0.377724	0.428495
CYGB	0.149913	0.150812	0.00862951	1
BCAM	24.4821	30.3608	0.310481	0.468622
KLHL28	0.495638	0.427001	-0.215048	0.854644
PAD1I	0.0125641	0.0118441	-0.0851388	1
NEURL3	0.0418011	0	#NAME?	1
MCM3AP-AS1	0.0900488	0.116991	0.37762	1
PKLR	0.37031	0.918068	1.30987	0.128787
CACNB3	16.1049	13.2772	-0.278556	0.549068
DKKL1	0.583815	0.365907	-0.674034	0.621874
CRYL1	17.6116	9.30716	-0.920111	0.00134142
ACCS	1.15652	0.571699	-1.01646	0.0688198
DEPDC4	0.196299	0.160006	-0.294927	1
PLXNA3	4.36357	5.19991	0.252979	0.653433
ALG1L	0.293881	0.124844	-1.23511	1
CCDC116	0.0494878	0.0774751	0.64666	1
EID2B	1.68912	2.58604	0.614467	0.216407
C1orf189	0.079929	0.122858	0.6202	1
AACSP1	0.516169	0.485084	-0.0896081	0.979701
C10orf11	9.98355	10.0961	0.0161682	0.995214
LENG8	6.98466	12.3353	0.820525	0.0183825
ZNF30	0.552608	0.832544	0.59127	0.310783
CCDC88A	0.815756	1.06281	0.381677	0.394201
CNN1	0.104706	0.0418926	-1.32157	1
SLC7A9	0.10848	0.120415	0.150591	1
LRRRC39	0.352799	0.464368	0.39642	0.950684
COL7A1	0.456432	0.624104	0.451386	0.876923
LOC100129083	0.117168	0	#NAME?	1
UGDH-AS1	1.72378	1.99857	0.213395	0.85074
ZNF404	1.56033	1.66476	0.0934689	0.967901
BEND3P3	0.0127325	0.0211836	0.73444	1
LCA5L	0.154284	0.139726	-0.142983	1
LOC100287042	0.180178	0.411562	1.19168	0.959465
PLAG1	0.822741	0.315495	-1.38282	0.00134142
CPNE7	29.8654	51.0947	0.774697	0.00134142
ANKAR	0.16345	0.1072	-0.608536	1
DPY19L1P1	0.450434	0.306533	-0.555271	0.896032
FNDC4	9.61429	9.78638	0.0255951	0.991767
ZNF93	0.0319418	0.0572258	0.841219	1
TMEM249	0.887416	2.44889	1.46444	0.0357572
USP30-AS1	0.0757524	0.116118	0.616228	1
ACSBG1	0.0943498	0.273402	1.53493	1
DUSP10	0.73768	0.41331	-0.835771	0.178496
ZNF416	2.76119	3.12178	0.177081	0.863259
ARRDC3	3.26958	4.90384	0.584804	0.0584113
CLEC2D	0.401464	0.350471	-0.195976	0.89195
ZNF805	0.856004	0.776527	-0.140581	0.908288
SOCS1	2.40094	4.65841	0.956239	0.0904428
DNAJC28	0.218305	0.198961	-0.133857	1
SCN4B	0.0436451	0.0126218	-1.7899	1
SLC2A11	1.84444	2.36018	0.355713	0.618305
OPRL1	1.41251	0.761649	-0.891065	0.0551188
DUOX1	0.0326035	0.019285	-0.757549	1
RNF157	0.457663	0.417374	-0.132947	0.954768

LOC286437	0.150791	0.267366	0.826269	1
HOXA11-AS	1.97172	1.74325	-0.177675	0.931471
PRPF40B	0.651289	0.480446	-0.438924	0.965573
ENDOD1	0.354974	0.690277	0.959463	0.0322484
KCNN4	6.30286	6.55413	0.0563983	0.979701
PCDHB10	0.223761	0.14596	-0.61639	1
C12orf76	1.12917	1.24427	0.140036	0.947008
LURAP1L	3.32016	0.593151	-2.48478	0.00134142
AHR	0.2369	0.240542	0.0220097	1
RPLP0P2	0.685943	1.18423	0.787782	0.101591
BCL3	6.81126	6.44617	-0.079481	0.972111
KIAA1958	0.581089	0.378595	-0.618102	0.398469
ZNF436	1.19467	1.44452	0.27398	0.725178
LOC100507373	0.33995	0.408636	0.265496	0.976618
TNFRSF14	14.2846	10.0815	-0.502754	0.169924
NRN1	26.0727	8.43638	-1.62785	0.00134142
LOC100272216	0.0347508	0.0698373	1.00695	1
C12orf60	1.1596	0.990712	-0.227091	0.901579
ZNF732	0.0145675	0.0102019	-0.51391	1
NS3BP	1.78998	4.00719	1.16265	0.0114515
XKR9	0.0864282	0.125758	0.541081	1
C8orf58	25.1328	18.0973	-0.473802	0.128873
ZNF564	1.34213	1.49626	0.156841	0.909164
TMOD4	0.104807	0.107446	0.0358839	1
VSIG2	0.0503788	0.110859	1.13784	1
TPT1-AS1	4.54052	3.0001	-0.597846	0.218449
RPL32P3	1.56418	2.30512	0.559436	0.271991
ZNF624	0.243974	0.187327	-0.381163	1
CCDC61	6.15058	6.99663	0.185938	0.872554
ZNF607	1.08732	1.78733	0.71703	0.0373672
CYP2D7P1	0.658462	0.800244	0.281339	0.908114
ARL15	0.97545	0.91984	-0.0846858	0.976214
IL11	6.8405	14.0025	1.03351	0.00134142
PHF1	24.122	17.9697	-0.424784	0.207891
HIATL2	0.995286	1.38675	0.478529	0.759003
RORA	1.05425	0.33314	-1.66202	0.00134142
KIF9-AS1	0.18284	0.161003	-0.183498	1
NKPD1	0.0149573	0.00750509	-0.994905	1
WWTR1-AS1	0.0821905	0.101724	0.307614	1
SNORD94	4.88583	4.32662	-0.175361	0.991767
NAPB	1.23006	2.07231	0.752511	0.030994
JRKL	1.17506	1.288	0.132394	0.934181
SYNE2	2.07382	1.82995	-0.180486	0.912776
GAS5	1060.2	1034.66	-0.0351834	0.986822
RG52	4.26732	4.29411	0.00902962	0.997036
MAN2B1	20.6809	22.6273	0.129767	0.890666
EMID1	6.81948	7.18421	0.0751661	0.971373
CCDC106	0.53205	0.688429	0.371746	0.845974
ZNF474	5.02853	2.49321	-1.01213	0.00243047
SNORA72	17.2837	20.5307	0.248368	0.988166
ENO2	167.666	59.4362	-1.49617	0.00134142
RIBC1	0.393774	0.284786	-0.467489	0.830321
ZNF276	3.92996	5.29465	0.430022	0.781066
JAK3	0.966521	0.622521	-0.634679	0.21617
PTPRB	0.0102568	0.00287127	-1.83682	1
DUSP23	19.1265	26.5398	0.472583	0.307454
FAM160A1	1.20387	0.425006	-1.50213	0.00134142
LOC100506599	0.479932	0.546226	0.186668	0.926258
ZBTB3	0.885525	0.926211	0.0648082	0.984917
TMEM86A	0.872622	0.464043	-0.911098	0.0634431
LRRC48	0.162676	0.146884	-0.147326	1
DFNB31	10.8946	11.3525	0.059391	0.975842
SPAG4	19.1208	8.61324	-1.15051	0.00134142
RAG1	0.0545397	0.00783933	-2.7985	1
C1orf213	0.846739	0.833047	-0.0235203	0.99714
AXDND1	0.528216	0.432299	-0.289096	0.788214
PTP4A3	9.50038	4.4966	-1.07915	0.00509212
LINC00853	1.32216	0.759255	-0.800243	0.441752
ZFP112	0.546658	0.654889	0.260613	0.803764
LINC00240	0.544144	0.886007	0.70333	0.697216
POM121L10P	0.0259424	0.0464446	0.840201	1
OTUD1	2.87459	1.63638	-0.812846	0.0288382
LOC100506123	1.14922	1.43089	0.316263	0.675612
LOC100131289	0.966761	0.819668	-0.23812	0.93549
ZNF133	4.11905	4.54531	0.142067	0.909179
DCXR	155.619	224.938	0.531502	0.0463932
ALDOC	137.797	101.452	-0.441741	0.146724
LOC284581	0.0213798	0.0247268	0.209824	1
ZNF57	2.31327	3.57375	0.627505	0.0848024

PLLP	0.971091	0.160479	-2.59722	0.0235476
FGF17	2.55492	3.90515	0.612101	0.339703
SMAD9	2.62267	1.06014	-1.30678	0.00134142
ABCA2	16.6483	18.4173	0.145683	0.849892
KLK14	0.129598	0.206977	0.675429	1
FAM13A-AS1	0.132926	0.163419	0.297956	1
SLC22A4	0.311437	0.673911	1.11362	0.693258
FGF9	0.228887	0.321602	0.490639	1
ROCK1P1	0.319586	0.123342	-1.37354	1
YPEL4	0.27368	0.031712	-3.10939	1
TRABD2B	0.0392721	0.020242	-0.956155	1
FHL1	0.0892823	0.216744	1.27954	1
VMO1	0.718143	0.967885	0.430565	0.828589
KLHL7-AS1	0.0496352	0.0230096	-1.10913	1
FAM228B	0.753493	0.254853	-1.56393	0.0245451
SHC2	12.2724	9.94252	-0.303737	0.559547
PRKCG	2.82004	2.16741	-0.379739	0.534473
BTBD2	51.2877	35.0774	-0.548073	0.0455504
PPEF1	0.163709	0.0225882	-2.85749	1
LOC100130417	0.283716	0.0331365	-3.09795	1
LRP5L	4.65924	5.78841	0.313074	0.624281
YPEL3	17.3915	6.07591	-1.51721	0.00134142
C10orf118	0.210868	0.22326	0.0823862	1
DLG4	14.3523	7.97047	-0.84855	0.582479
PLA2G4C	0.0714143	0.0731189	0.0340324	1
PVT1	24.7866	30.8611	0.31623	0.397636
LINC00638	0.212466	0.18722	-0.182495	1
ESRRB	0.148306	0.115816	-0.356735	1
NPC1L1	0.0124789	0.0127242	0.0280911	1
DNM1	7.57318	6.90684	-0.132874	0.986822
LOC389247	0.155984	0.340874	1.12784	1
FLJ39639	0.136041	0.181632	0.41698	1
DKFZP686115217	0.721601	0.377168	-0.935996	0.153604
ID2	2.39374	1.52124	-0.654019	0.216565
LOC100130000	0.060647	0.081904	0.433497	1
ENPP5	0.255103	0.131797	-0.952762	1
LOC100272217	0.529315	0.786313	0.570978	0.441206
CCT6B	0.957231	0.669835	-0.515063	0.474838
ZBTB20	0.0530894	0.0122713	-2.11314	1
ACVR2B-AS1	0.391658	0.271953	-0.526238	0.938139
KLRG1	0.108806	0.0909843	-0.258074	1
PARP6	5.25324	5.47813	0.0604762	0.976618
STK4-AS1	0.0389484	0.0338264	-0.203415	1
MSMP	1.79922	1.98697	0.143202	0.978981
HLX	0.26821	0.433212	0.691711	0.636639
LOC494141	0.00665918	0.0283327	2.08905	1
CAPN3	1.79299	1.4977	-0.259618	0.845783
LOC100506548	18.1463	18.0798	-0.0052944	0.99714
AQP1	0.115579	0.148751	0.364022	1
PLXDC1	0.0765318	0.0115886	-2.72335	1
LINC00167	0.0467985	0.0362045	-0.37029	1
OTX1	1.42235	1.82282	0.357894	0.654905
DNAJB5	2.81025	2.39425	-0.231121	0.791404
GP6	0.0749707	0.169844	1.17981	1
STAG3L2	1.11712	1.78453	0.67575	0.219827
KDM4D	0.280071	0.250561	-0.160632	1
ZNF814	0.889994	1.61187	0.85687	0.00743393
CROT	0.565786	0.580626	0.0373522	0.993379
ADAP2	0.0337398	0.00754658	-2.16056	1
HIST1H2AB	0.258402	0.98902	1.93638	0.406031
LRRC37A11P	0.0154982	0.00726064	-1.09394	1
RGS14	4.26377	5.91372	0.471936	0.270279
CDKN1B	7.28785	6.06712	-0.26448	0.649424
LOC440925	0.154772	0.0190614	-3.02142	1
CLYBL	0.339653	0.368571	0.117878	0.964792
HAVCR2	0.0227407	0.0146599	-0.633401	1
C20orf196	1.56949	2.68395	0.774065	0.125546
NTNG2	1.43802	0.778873	-0.884619	0.102329
ITGA7	2.6936	2.23209	-0.271138	0.774191
DHRS12	1.706	1.57644	-0.113949	0.969776
RBKS	2.02607	1.21049	-0.74309	0.926446
TINCR	0.171683	0.206968	0.26966	1
C1RL-AS1	0.219604	0.135796	-0.693465	1
MGAM	0.0218083	0.00481581	-2.17903	1
HAS3	1.10255	2.35506	1.09493	0.548577
ZNF846	0.227097	0.0791308	-1.521	1
MAB21L3	0.0816628	0.0638232	-0.355597	1
KIRREL	0.71847	0.656282	-0.130612	0.956807
HOMEZ	1.56154	1.44164	-0.115266	0.948068

ZKSCAN7	0.482178	0.548737	0.186548	0.927627
ZNF518A	0.881729	0.830085	-0.0870765	0.959465
PSORS1C1	0.593274	0.37568	-0.659195	0.737639
ZC3H12B	0.187318	0.225271	0.266177	1
ZDHHC8P1	0.72563	0.578525	-0.326853	0.826236
ATP6V1C2	0.267376	0.289461	0.1145	1
FAM167B	0.678857	0.541353	-0.326537	0.912689
TP53TG1	5.29486	4.65954	-0.184407	0.912418
AASDH	1.64316	1.01376	-0.696761	0.0648441
RPL13	743.802	886.502	0.253205	0.674264
TBX6	0.772588	0.243263	-1.66718	0.0504457
CRYGS	1.53317	2.5056	0.708635	0.253393
HESX1	0.346701	0.170836	-1.02108	1
CPA4	0.0270166	0.0109334	-1.3051	1
MIR31HG	0.216393	0.212782	-0.0242813	1
SCD	80.0755	105.432	0.396876	0.227784
CLEC2B	0.205911	0.0519376	-1.98717	1
LOC388692	0.285967	0.355948	0.315818	0.680021
ADSSL1	1.6017	1.19753	-0.419535	0.634201
FANCF	2.99761	4.36304	0.541525	0.115486
FAM83G	6.51419	4.88944	-0.413916	0.349665
DNAH17	0.151334	0.254993	0.752719	1
AMER1	0.416651	1.01993	1.29156	0.00134142
LOC100188947	0.132246	0.136796	0.0488064	1
LYRM9	2.13689	0.756606	-1.4979	0.00425224
ENTPD3-AS1	0.112052	0.0611594	-0.873517	1
LOC399715	0.216246	0.0934552	-1.21033	1
FAM149A	0.931308	0.782467	-0.251228	0.847596
SPN	0.00918497	0.00479499	-0.937747	1
CA12	6.29558	4.75036	-0.406302	0.258786
ZFP1	1.67355	2.29296	0.4543	0.281427
POM121L8P	0.263608	0.436685	0.7282	0.165739
SPDYE5	0.15117	0.123196	-0.295213	1
ZNF816,ZNF816-ZNF321P	2.45448	3.15631	0.362822	0.491149
LYG1	1.87909	4.0209	1.09748	0.0150729
GOLGA6L4	0.102098	0.0775813	-0.396169	1
LOC100271722	1.81422	0.974559	-0.89653	0.0743087
ASS1	87.6254	88.4457	0.0134416	0.994615
DPYSL2	6.39611	5.73116	-0.158368	0.844458
SMG1P1	0.0344142	0.015031	-1.19506	1
FOXA1	1.08674	1.39017	0.355255	0.629687
KDM3A	14.192	7.42863	-0.933908	0.00134142
KIFC2	11.6991	15.8352	0.436737	0.364877
LCE1E	0.140495	0.0143638	-3.29001	1
NLRP1	0.258132	0.0743767	-1.79519	1
TJP3	0.461222	0.106313	-2.11714	0.699609
TLR1	0.0386486	0.021913	-0.818628	1
UCN	2.78082	4.82112	0.793861	0.345568
SLCO1B7	0.185118	0.0851833	-1.1198	1
PP7080	10.213	14.6449	0.519991	0.114315
CRIPAK	0.871248	0.810525	-0.104227	0.961224
ERVFRD-1	0.0223401	0.0150029	-0.57439	1
INPP5J	2.39732	1.60954	-0.574777	0.270481
SND1-IT1	0.0392437	0.0402699	0.0372408	1
MROH1	16.5911	16.0896	-0.0442756	0.981197
LEAP2	0.360455	1.03965	1.5282	0.0909525
MIR210HG	10.4018	6.32028	-0.718769	0.0205623
C2	0.130995	0.110837	-0.241074	1
NECAB1	0.0309216	0.0381266	0.302187	1
CYP2D6	1.22186	1.46444	0.261273	0.876452
LOC283683	0.052864	0.0193756	-1.44805	1
CUL7	4.79147	4.23138	-0.17934	0.813924
C1orf110	0.223103	0.278395	0.31942	1
PRSS23	2.74983	4.20511	0.612801	0.0576801
PLIN1	0.0958918	0.0886428	-0.113404	1
PALM3	10.2751	11.9109	0.213131	0.73399
WASH5P	2.00231	2.16492	0.112653	0.966946
C6orf170	0.205761	0.145074	-0.504183	1
GPRC5C	0.338758	0.316257	-0.0991587	1
ACAP3	4.74122	6.73207	0.505792	0.165314
PMS2CL	1.95118	1.62707	-0.262071	0.801355
RRAS	29.9242	19.3002	-0.632696	0.0470437
GOLGA8B	3.51609	3.37543	-0.0589032	0.977095
ZNF442	0.29759	0.405986	0.448106	0.638499
CHRM3	0.0610064	0.087647	0.522744	1
MTL5	1.4326	0.525756	-1.44617	0.00243047
ZNF709	0.654176	0.774684	0.243929	0.803764
EYS	0.00722077	0.0134981	0.902529	1
LOC100132247	1.62181	1.97239	0.282338	0.728225

LINC00263	10.981	5.39703	-1.02477	0.00134142
NBPF14	2.17469	2.5916	0.253035	0.698337
ZNF767	1.84238	3.25697	0.821962	0.0235476
C9orf172	0.462969	1.03794	1.16474	0.189199
IL11RA	0.780951	1.26074	0.690967	0.279887
NF1	0.767518	0.675211	-0.184862	0.88673
STAG3L1	0.0677402	0.100058	0.562755	1
COL13A1	2.12293	0.79505	-1.41694	0.00134142
PTPN6	0.0255783	0.0384747	0.588988	1
LOX	0.811457	0.914192	0.171983	0.897739
DAB2	0.033611	0.016625	-1.01558	1
DCUN1D2	3.06012	5.34935	0.805774	0.009453
TRIM66	0.351817	0.265257	-0.407437	0.555919
RENBP	0.185431	0.0683946	-1.43893	1
ZNF611	0.356021	0.288627	-0.302755	0.781492
CLIC2	0.151567	0.0497398	-1.60748	1
FLJ45445	0.037109	0.012235	-1.60075	1
TMEM37	0.120201	0	#NAME?	1
SEMA6C	1.9704	1.36075	-0.534081	0.29367
ST6GALNAC6	82.1854	130.187	0.663633	0.010797
TP53INP1	1.54855	0.895024	-0.790918	0.0189207
RASA4	3.591	2.34955	-0.612001	0.0605453
TMEM71	0.515583	0.0852656	-2.59617	0.0145499
ZNF585A	0.710859	0.56177	-0.339582	0.674163
B9D2	5.18844	7.87188	0.601408	0.373993
PNPLA7	1.38864	1.1606	-0.258803	0.787261
G2E3	0.791259	0.935349	0.241355	0.767144
ZNF571	0.620249	0.505776	-0.29435	0.872117
SYTL1	10.8404	6.57494	-0.721368	0.0467709
GCC2	0.529118	0.551208	0.0590084	0.979944
CROCCP3	0.234504	0.370736	0.660782	0.300705
THAP7-AS1	2.32011	2.4663	0.0881537	0.993379
APOBEC3D	0.0899953	0.113474	0.334443	1
ZNF17	0.876589	1.24864	0.510384	0.337563
CMBL	8.64149	5.68447	-0.604256	0.0278845
LOC113230	3.71654	5.38932	0.536141	0.426017
C9orf131	0.0140082	0.0317648	1.18116	1
CCNG1	45.0128	37.8203	-0.251172	0.58206
NAIP	0.428123	0.46349	0.114512	0.958814
OTOA	0.0487053	0.0274026	-0.829765	1
PNPLA4	6.82911	5.18303	-0.397902	0.27405
ENO1-AS1	0.330621	0.371652	0.168774	0.99351
AIFM3	0.503709	0.199653	-1.3351	0.0436049
CTRL	0.985991	3.52111	1.83638	0.278323
GOLGB1	1.93868	2.23213	0.203348	0.758132
ZNF182	0.9057	1.05672	0.222487	0.825249
CD72	0.495853	0.20244	-1.29242	0.913628
C4orf40	0.00246939	0.00152734	-0.693136	1
ALDH6A1	2.05251	1.3135	-0.643979	0.205713
ZNF724P	0.187866	0.19084	0.0226597	1
FAM201A	2.99543	1.90827	-0.650499	0.219954
FEM1B	1.29292	0.891163	-0.536867	0.37012
TTC30B	0.10787	0.116409	0.109912	1
SLC5A4	0.0404704	0.0346706	-0.223151	1
SRD5A1	2.27246	2.021	-0.169186	0.907689
TMEM120A	28.5833	33.5308	0.230317	0.917308
PIGZ	0.62103	0.318476	-0.963475	0.15219
IL10RA	0.0707431	0.092869	0.392609	1
LRIG2	1.58107	1.07835	-0.552069	0.199241
CCDC153	0.192114	0.191125	-0.00744633	1
FBXO15	0.357334	0.0807508	-2.14572	0.0382315
RRM2B	7.2887	8.21172	0.172023	0.812113
TCTN1	4.54518	4.14807	-0.131896	0.927627
LINC00174	0.707957	0.352596	-1.00565	0.0630479
ATXN1	0.289019	0.0667887	-2.11349	1
ZNF581	110.057	80.4494	-0.452101	0.123542
BCO2	0.0475151	0.0694614	0.547826	1
L3HYPDH	2.04118	2.18859	0.100599	0.970195
SCYL3	0.628091	0.564014	-0.155243	0.979291
GFRA3	0.0735944	0.0227429	-1.69418	1
NUAK2	0.185261	0.251996	0.443841	1
ZNF248	1.25513	2.45257	0.966453	0.00134142
ZNF764	2.70227	4.35756	0.689347	0.0645318
PPM1M	6.9091	4.19704	-0.719126	0.0245451
PPP1R12B	0.40583	0.462283	0.187898	0.933242
ZNF391	0.454594	0.340083	-0.418691	0.762454
SGIP1	0.394509	0.256918	-0.618754	0.316648
STAT2	4.07925	3.48459	-0.227315	0.714805
MMP19	1.58218	0.736396	-1.10336	0.617509

SLC23A3	0.511309	0.693646	0.440005	0.67097
SLC17A7	0.267396	0.111813	-1.25789	1
UQCRHL	1.84579	2.31604	0.327427	0.839607
UFSP1	2.65532	7.63906	1.52451	0.00243047
C22orf32	21.3792	23.2602	0.121656	0.904734
GALR2	0.263593	0.78586	1.57596	0.280427
PLK3	10.9261	15.4631	0.501051	0.128584
MTM1	0.563132	0.469275	-0.263039	0.830662
FAM212B	0.857338	1.06424	0.311886	0.895717
FAM222A	0.835821	3.27213	1.96896	0.00134142
LOC613037	3.33396	5.30254	0.669446	0.0470437
ZNF398	2.05953	3.42699	0.734632	0.0126858
ROM1	1.24612	1.62613	0.383999	0.950929
ZNF563	0.706198	0.733158	0.0540521	0.986919
ZNF469	0.00581882	0.00160787	-1.85557	1
PLEKHF1	5.24235	5.5794	0.0898941	0.966946
WDR96	0.0378601	0.0166171	-1.18801	1
WDR5B	0.759149	1.03157	0.442393	0.416586
TRIOBP	8.68697	8.92769	0.0394329	0.987858
GPR146	4.10236	1.36276	-1.58992	0.819258
SWSAP1	2.20503	3.73548	0.760494	0.0736473
ZNF681	0.311954	0.243527	-0.357249	1
FXVD1	1.18408	0.968454	-0.290017	0.925972
RPS18	10930.9	12382.4	0.179877	0.852163
ZNF292	1.29739	0.986472	-0.395262	0.330501
ZNF114	2.95512	3.11619	0.0765695	0.970195
LOC388152,LOC642423	11.4076	10.2128	-0.159617	0.845726
RASD2	0.833926	0.552457	-0.594057	0.381597
LOC100506190	8.89002	3.54367	-1.32694	0.00134142
PITPNA-AS1	11.9924	6.71062	-0.837606	0.806389
TCTN2	1.54526	1.30476	-0.244064	0.812937
DDX11-AS1	0.72923	0.556656	-0.389589	0.970232
LRRC56	1.63164	1.81322	0.152237	0.942878
IL20RA	0.573599	0.314141	-0.868632	0.105593
ITPRIPL2	2.99984	5.65079	0.913565	0.00134142
SNORA57	17.151	29.2987	0.772546	0.954768
TRIM22	0.0988526	0.104535	0.080635	1
MTMR3	3.43171	2.48886	-0.46344	0.141091
BAIAP2L2	0.100483	0.0299287	-1.74735	1
KIAA0825	0.0189074	0.0173137	-0.127036	1
PANK1	0.204726	0.335584	0.71298	1
PRDM11	0.191073	0.19807	0.0518853	1
TPPP	1.12358	0.86366	-0.379574	0.532349
KIAA1109	0.706002	0.582928	-0.276356	0.615468
OPN1SW	0.189514	0.34259	0.854177	1
PTGER4P2-CDK2AP2P2	0.0415965	0.0627171	0.592396	1
ZNF254	0.687085	0.566603	-0.278151	0.771183
ATP2A1	0.913313	0.820393	-0.154794	0.986822
SIDT2	2.94096	2.12221	-0.47072	0.850947
CNPY1	0.00540852	0.0033679	-0.683384	1
HSD17B3	0.200068	0.0909244	-1.13775	1
HHIP-AS1	0.0770677	0.0534179	-0.528804	1
CAMK2D	3.31727	1.46718	-1.17696	0.00134142
LOC440300	0.126638	0.119229	-0.0869725	1
EEF1G	3357.71	3776.21	0.169461	0.856886
SLC7A7	0.145892	0.157254	0.108203	1
C10orf111	0.123311	0.133321	0.112599	1
ZNRF1	11.1072	7.85079	-0.50059	0.0935542
EPPK1	0.00944655	0.0100367	0.0874187	1
TSC22D2	6.82466	5.53095	-0.30323	0.518593
IL1RAP	2.35022	0.768337	-1.61299	0.00134142
SLC37A2	0.215409	0.158171	-0.445598	1
KCNN1	0.175359	0.0918134	-0.933533	1
LRRC37A3	0.028631	0.0314699	0.136391	1
RPLP1	8738.64	11178.6	0.355261	0.398538
C9orf153	0.0436918	0.0480053	0.13583	1
TIGD7	0.0974383	0.128589	0.400202	1
ZNF75A	1.02965	1.49022	0.533368	0.377178
HERC2P7	2.56068	3.98671	0.638671	0.11025
RAB30	0.265526	0.167007	-0.668944	1
HNRNPU-AS1	4.62206	6.05948	0.39066	0.36322
PPP1R32	0.492057	0.520502	0.0810804	0.986353
TLL7	0.12686	0.0831966	-0.608646	1
MYH11	0.0649822	0.0525704	-0.305795	1
HIST4H4	0.555293	0.511387	-0.118832	0.989869
TEF	2.035	4.00115	0.975388	0.00134142
LMAN1	1.73374	1.57791	-0.135876	0.913628
TMEM40	0.087345	0.0697767	-0.32398	1
LOC100506730	1.4363	1.55553	0.115051	0.954768

DTX4	1.04254	1.67537	0.684374	0.0596414
BCL2L15	0.0460379	0.0776667	0.754474	1
ZNF230	0.580617	0.681458	0.231038	0.841354
LOC100508120	0.476091	0.28651	-0.732653	0.453509
CRY2	3.62256	4.50992	0.316093	0.5221
TPT1	3575.13	3926.87	0.135381	0.901579
HNRNPH2,RPL36A,RPL36A	1430.69	1624.35	0.183153	0.806888
DDR2	0.0834373	0.0511509	-0.705932	1
MSANTD3,MSANTD3-TMEF	61.8171	47.9369	-0.36687	0.270279
RPSAP58	38.9712	42.8565	0.137104	0.869078
PLEKHG4	3.23906	2.35167	-0.461892	0.269188
GEM	1.3409	0.522293	-1.36027	0.00672555
TUBB3	51.5374	81.8749	0.667801	0.00743393
ENPEP	0.0308867	0.00988236	-1.64406	1
PDE7B	0.107974	0.195259	0.854702	1
TGFBR3L	0.360073	0.216987	-0.730684	1
DDDB2	20.8666	11.4039	-0.871664	0.00337323
ZNF821	4.34891	2.9834	-0.5437	0.216565
ZNF319	2.59776	2.79461	0.105383	0.950929
GREB1	0.0537747	0.0325166	-0.725749	1
HCST	1.55593	1.28628	-0.274569	0.933625
LOC100128822	6.80555	5.16209	-0.398756	0.509102
ACADVL	100.903	125.353	0.31302	0.535638
C4orf47	1.02129	0.381689	-1.41992	0.0718958
CUX1	20.5573	20.7553	0.013831	0.995515
SMAP1	2.9252	1.93425	-0.596766	0.11492
HCN3	0.631592	1.0521	0.736212	0.265454
ZNF185	0.12411	0.0980778	-0.339615	1
TTC18	0.34602	0.15515	-1.1572	1
CSPG4	0.0130992	0.0343123	1.38925	1
CCDC120	0.267402	0.187302	-0.513646	1
LENG9	11.9226	10.6773	-0.159156	0.952905
PPP1R21	2.81593	3.00049	0.0915887	0.95534
RIMKLA	2.1769	0.905845	-1.26494	0.00134142
MTMR11	2.18783	0.887038	-1.30243	0.00134142
KCNQ3	0.0065682	0.00687874	0.0666462	1
ZNF783	1.53068	1.83651	0.262791	0.742873
PHYHIP	0.129904	0.0411186	-1.65958	1
FXYD7	0.226964	0.038787	-2.54882	1
KIAA1614	0.0214446	0.0538604	1.32861	1
BBS12	0.547979	0.850193	0.633671	0.225675
EPOR	4.72939	4.08154	-0.212542	0.807656
LOC100505718	3.04896	1.49982	-1.02353	0.00134142
OCEL1	18.872	14.3389	-0.396312	0.34771
LOC284023	3.96155	5.3301	0.428099	0.288804
CREB5	2.46931	0.813571	-1.60177	0.00134142
LRR1Q4	0.0333043	0	#NAME?	1
LOC155060	2.81804	2.43661	-0.209818	0.835941
GOLGA6L5	0.176038	0.201414	0.19428	1
FSTL1	0.0277212	0.0122397	-1.17942	1
GABPB1-AS1	1.09047	1.13985	0.0638874	0.991767
TMEM198B	1.68824	0.642091	-1.39467	0.738927
PDX1	1.84494	2.29651	0.31587	0.718723
ZNF500	3.09453	4.31954	0.481158	0.2331
ZNF19	0.606603	0.330649	-0.875451	0.106054
ZNF658	0.166946	0.1467	-0.186511	1
RPL39	7121.28	8327.11	0.22568	0.71112
NAP1L1	124.006	123.058	-0.0110797	0.995957
TBX1	1.56798	1.40634	-0.156958	0.956296
ACOT11	0.182768	0.108196	-0.75637	1
GBE1	23.1746	14.1529	-0.711451	0.00243047
ZNF862	0.995078	0.520761	-0.934188	0.0189207
UTRN	0.892696	0.471566	-0.92071	0.00243047
SMARCD3	45.5953	60.4588	0.407068	0.187511
RPL9	3980.98	4186.09	0.0724813	0.966409
NUDT3,RPS10,RPS10-NUD	4835.64	5749.34	0.249688	0.672097
FAM22G	0.0790912	0.240973	1.60728	1
CACNG8	0.118727	0.117644	-0.0132237	1
HMHA1	19.124	17.5827	-0.121224	0.979046
RUFY2	1.38948	1.36375	-0.0269651	0.992173
IDH2	44.446	37.6924	-0.237782	0.619732
ZNF324B	1.75074	2.82789	0.69176	0.0970854
C9orf163	0.37467	0.918802	1.29414	0.927099
ZNF34	1.32519	1.24258	-0.0928685	0.972989
ELAC1	1.72128	1.23098	-0.483682	0.359221
ZNF527	0.770397	0.67927	-0.181615	0.890888
ASH1L-AS1	2.09929	2.70366	0.365012	0.921047
HSD3B7	19.9251	23.9694	0.266608	0.553778
NR1D2	2.73986	1.65155	-0.730286	0.0126858

RAPSN	0.11303	0.127908	0.178402	1
PDIK1L	1.61762	1.65643	0.0342047	0.989365
AGBL5	10.762	9.1972	-0.226679	0.956373
LOC653160	0.694336	0.742277	0.0963225	0.979733
SCNN1D	1.11819	0.594857	-0.910549	0.120396
NPAS2	6.68911	6.37691	-0.0689581	0.966946
MYOF	10.8372	7.72613	-0.488182	0.0652056
SNORD17	1.81851	2.23416	0.296976	0.988166
DYSF	0.103883	0.0637579	-0.704289	1
KDELR3	11.8387	6.33306	-0.90254	0.735667
SYNGAP1	2.76639	2.25428	-0.295338	0.651698
HILPDA	22.804	29.8806	0.389925	0.255519
SLC2A5	0.0457652	0.0220686	-1.05226	1
ZNF675	1.54517	1.31595	-0.231656	0.819681
METTL21B	2.51368	3.00098	0.255629	0.737796
RGS4	12.6564	22.4861	0.829165	0.00134142
ENGASE	3.61769	6.77629	0.905426	0.00134142
NRXN3	0.00149933	0.00219437	0.549489	1
RNF112	0.266023	0.220368	-0.27164	1
LCA5	0.228692	0.127833	-0.839151	1
TCP11L2	0.448665	0.10247	-2.13044	0.0200038
GEMIN8P4	0.989663	0.813919	-0.282051	0.857265
RPS3A	3036.89	3260.73	0.102603	0.941621
ALDH1A3	0.0255766	0.022748	-0.169085	1
HYDIN2	0.00303688	0.00502693	0.72709	1
CDKL2	0.151789	0.0285745	-2.40927	1
SNHG6	849.572	949.723	0.16077	0.828427
APOC1	8.54866	10.8592	0.345145	0.693704
C7orf63	0.468957	0.831168	0.825683	0.0611798
FAM175A	4.40195	2.50748	-0.811905	0.248226
PFKFB4	43.8803	15.421	-1.50868	0.00134142
NHLH2	0.441996	0.512737	0.214184	0.918342
LOC728875	0.120852	0.176839	0.549192	1
IGDCC4	0.0990013	0.0925796	-0.0967545	1
DPCD	54.4661	54.4973	0.000827039	0.999427
CD302,LY75,LY75-CD302	0.32514	0.487163	0.583342	0.316696
F8	2.4043	1.33962	-0.843796	0.102585
SLC27A1	4.6558	2.85304	-0.706531	0.0407579
LRR1Q3	0.144823	0.0839955	-0.785906	1
RPS19	4907.84	6265.09	0.352247	0.404331
DNHD1	0.476997	0.786633	0.721712	0.227784
LOC401127	0.0594385	0.127764	1.10401	1
LTBP4	10.4469	6.90055	-0.598298	0.0444101
CDHR5	0.0137686	0.0259616	0.914998	1
LIN7B	2.24339	3.30989	0.561104	0.664776
PCDHB14	2.35263	1.84873	-0.347737	0.583373
HSPH1	3.50481	8.43394	1.26687	0.00134142
PDLIM2	118.228	80.7179	-0.55061	0.0336095
B3GNT4	1.76927	0.609294	-1.53794	0.0114515
SRGAP1	0.402968	0.512552	0.347034	0.621063
GPR158	0.126031	0.149566	0.247006	1
GRAMD1C	0.579689	0.173913	-1.73692	0.00134142
NOXRED1	0.145115	0.0849196	-0.773023	1
HSD11B1L	0.84407	0.912936	0.113152	0.993379
C17orf76-AS1,SNORD49B	1029.78	1073.92	0.0605554	0.973348
CLOCK	0.604708	0.817163	0.434385	0.292729
FRS3	3.34695	3.49711	0.0633172	0.979701
RPS3	2443.88	2659.25	0.121848	0.929536
ANKRD50	0.869403	0.777992	-0.160269	0.885624
HCFC2	0.552601	0.648106	0.229991	0.816855
IFIT1	0.123611	0.122952	-0.00770939	1
FAM13C	0.00397755	0	#NAME?	1
HOXB5	1.88973	2.72278	0.526906	0.69673
SLC15A3	2.03212	2.89663	0.511388	0.958201
ZNF529	1.21873	1.34125	0.138197	0.924371
LOC644656	1.53939	1.92922	0.325658	0.77851
HDAC10	10.1403	10.4746	0.0467811	0.982156
LOC100268168	2.60832	1.2672	-1.04147	0.036526
CDK18	6.63909	3.28283	-1.01604	0.00134142
EPHX2	3.92073	2.57185	-0.608318	0.123604
CALML6	0.108474	0.0827385	-0.390715	1
INE2	1.84568	1.42254	-0.375683	0.736532
FAM229B	2.07309	1.47056	-0.495421	0.734132
DDX17	49.981	65.4678	0.389407	0.26155
ANKRD20A9P	0.0660108	0.0743845	0.172299	1
HTR7P1	0.71652	0.908741	0.342861	0.674962
FOXH1	8.67974	11.5599	0.413405	0.642688
CCDC144A	0.00170419	0	#NAME?	1
CCDC39	0.00521558	0.0350674	2.74923	1

ANKDD1A	0.930926	0.752245	-0.307465	0.750689
ANKRD18A	0.34636	0.369517	0.0933708	0.976618
DUSP28	2.23978	2.75718	0.299838	0.806389
ZNF613	1.32912	1.55998	0.231059	0.828589
LOC100505912	0.137263	0.127011	-0.111993	1
LOC150381	3.46844	4.77607	0.461537	0.319563
SCAPER	1.73083	0.887091	-0.96431	0.00337323
RPS8	4782.34	5512.74	0.205055	0.771183
DEPTOR	0.68983	0.347442	-0.98947	0.0691409
KNDC1	0.854388	0.472756	-0.853797	0.0615558
LCN15	0.301881	0.278403	-0.116803	1
THAP9-AS1	10.7455	9.16536	-0.229464	0.715731
KRT34	0.0641518	0.0180898	-1.82631	1
TAGLN2	75.3559	112.556	0.578853	0.0270114
C2orf62	0.0953474	0.0215224	-2.14736	1
DMXL2	1.58075	1.32105	-0.258927	0.642142
SNN	6.31046	7.95461	0.334046	0.663996
FAM184B	0.143978	0.448576	1.6395	0.0150729
SETD4	6.60311	9.58145	0.537099	0.19894
CCBL1	9.04423	7.50928	-0.268324	0.660278
ILF3-AS1	5.66113	6.91522	0.288685	0.633749
FAM227A	0.0955662	0.190063	0.991909	1
GLTSCR2	618.378	609.78	-0.0202002	0.991767
OSTCP1	0.0953408	0.0870191	-0.131761	1
SP8	0.264619	0.302291	0.192018	1
FAM90A25P	0.621006	0.395293	-0.651683	0.512119
UBL4B	0.0728507	0.053408	-0.447887	1
TSSK6	1.46713	0.866619	-0.75953	0.408933
ZBTB34	2.06678	1.96547	-0.072511	0.966946
SRD5A3	3.69629	1.96623	-0.910647	0.00425224
HSD17B8	6.17588	4.13817	-0.577651	0.229068
KIAA1324L	0.255694	0.174492	-0.551254	1
UACA	0.779994	0.27614	-1.49806	0.00134142
THBS3	1.4514	0.845093	-0.780259	0.0870955
RPS27	9402.34	10453.3	0.152868	0.865541
MST1L	0.217364	0.108153	-1.00704	1
DHRS1	1.50368	2.4226	0.688059	0.209943
RASA2	0.489973	0.443354	-0.144243	0.954188
ZNF83	2.17916	1.67968	-0.375587	0.463847
BTN3A3	0.819708	0.817345	-0.00416538	0.998564
C10orf55	0.202036	0.280721	0.474521	1
BBS9	0.904052	0.421408	-1.10119	0.009453
LGALS3	42.8463	46.6464	0.122595	0.900727
FLJ27354	0.799568	0.395721	-1.01474	0.346561
ZNF223	0.880925	0.667295	-0.400694	0.619291
TCAP	0.186512	0.526918	1.49831	0.255272
EXOC3L4	0.0521225	0.019165	-1.44344	1
RPL36	4760.67	5760.68	0.275073	0.558681
ETNK2	1.21916	0.652698	-0.901395	0.0967199
SEMA3C	0.28482	0.314207	0.141665	1
BTG2	8.93206	9.7096	0.120419	0.912153
LOC493754	3.76655	3.90408	0.0517421	0.979701
SENP7	0.93691	0.491414	-0.930971	0.0167292
ZNF567	2.08742	2.28579	0.130971	0.926225
ZNF778	0.277632	0.530885	0.935225	0.0753213
BIRC3	0.613361	1.45999	1.25114	0.00134142
ZNF12	3.39068	3.91223	0.206417	0.739394
PAX2	1.38724	1.54433	0.154756	0.929478
LOC100507140	0.00729038	0.00459065	-0.667294	1
HCFC1R1	306.196	281.885	-0.119351	0.950929
RAB13	73.3614	82.6198	0.171466	0.789193
ANKRD20A2,ANKRD20A3	0.00305844	0	#NAME?	1
ZNF419	2.15751	2.20755	0.0330814	0.990857
GATSL3	3.02444	3.66127	0.275677	0.783646
IDS	9.72749	10.6056	0.124687	0.943861
HHAT	0.440618	0.227755	-0.952044	0.0736473
KIAA0319	0.0555279	0.0266918	-1.05682	1
ZNF16	9.10747	5.50415	-0.726531	0.00882987
C1orf162	0.412272	0.427591	0.0526359	0.99316
ZNF81	0.114791	0.119062	0.0527088	1
PARS2	4.03875	5.73971	0.507069	0.173163
CDNF	1.10796	0.393745	-1.49258	0.0200038
ARHGEF6	0.302344	0.141434	-1.09606	1
GPSM2	1.33417	0.875892	-0.607114	0.819681
LRRC29	0.785545	0.335968	-1.22537	0.147583
ARSG	0.575308	0.49595	-0.214139	0.94904
CLIP2	14.1977	9.12843	-0.637215	0.0126858
SLC26A4	0.0560625	0.051714	-0.116481	1
EEF1A1	5035.02	4797.67	-0.0696639	0.979484

NSUN5P2	5.09378	8.64998	0.76396	0.679573
GCKR	0.118312	0.0497375	-1.25019	1
SERPINB2	0.00669328	0.00421831	-0.66605	1
HPDL	9.39556	29.6093	1.656	0.00134142
ACTR1B	65.303	49.3194	-0.404995	0.192672
PCED1A	12.4387	14.0571	0.176461	0.966946
NFAT5	2.32835	2.51984	0.114022	0.913628
CENPF	3.73199	4.72984	0.341846	0.33875
ATAT1	1.28723	1.47982	0.201156	0.916105
SOGA1	0.398412	0.651255	0.708962	0.261904
OPLAH	28.0935	43.9066	0.644204	0.0145499
RARRES1	1.09905	0.695656	-0.659815	0.420042
TRIQQ	1.86938	0.589202	-1.66572	0.00134142
KCTD11	11.5163	12.2228	0.0858968	0.950929
IQUB	0.010824	0.0076417	-0.502264	1
CCDC122	0.903647	0.267459	-1.75644	0.156099
IL17D	2.14718	3.31258	0.62551	0.212023
LOC146880	8.54937	9.26133	0.115402	0.933023
PHLDA3	85.2039	83.6543	-0.0264794	0.990324
TIGD5	21.37	46.1262	1.11	0.00134142
ZNF431	1.63924	0.941032	-0.800711	0.0270114
ZBTB24	3.00743	3.14238	0.0633258	0.979701
IFIT5	2.28434	5.19555	1.1855	0.00134142
RHBDL2	0.0757328	0.020381	-1.89369	1
FBXO38	4.79737	4.52243	-0.085144	0.954677
RPL35	8047.42	10262.5	0.350788	0.385575
C11orf92	0.0869952	0.076814	-0.179567	1
MPL	0.0323313	0.0294602	-0.134163	1
FGGY	6.50629	4.28885	-0.601246	0.0929396
NSUN5P1	6.4493	12.5524	0.960754	0.396027
PARVA	3.26006	4.54462	0.479262	0.0997646
FAM178A	2.96314	3.33333	0.169838	0.963669
FLJ37453	2.15904	1.68707	-0.355869	0.955406
HEXDC	2.23593	2.22537	-0.00682709	0.999214
KCNIP3	2.0422	2.06149	0.013564	0.996453
PHLDB2,PLCXD2	0.444225	0.378345	-0.231588	0.868277
FAM35DP	0.161305	0.145283	-0.150924	1
CDH2	0.00295678	0	#NAME?	1
POLR2J3	2.36115	3.03564	0.362511	0.648141
LOC100505989	0.00401615	0.00862091	1.10203	1
TUBGCP5	3.88334	2.85134	-0.44566	0.206979
AGRN	10.6866	15.9745	0.579975	0.0292254
CRISPLD2	0.030928	0.0505554	0.708952	1
CYBB	0.0412569	0.0435768	0.0789271	1
NAB1	3.60071	3.8989	0.114786	0.921182
C11orf45	0.101245	0.0233034	-2.11924	1
RPL15	938.706	1076.65	0.197807	0.786082
FAM102B	1.57628	1.33298	-0.241864	0.72508
HHIPL2	0.13716	0.133709	-0.0367617	1
COMMMD10	5.44763	7.64456	0.488804	0.208084
LOC389765	0.398985	0.51119	0.357524	0.808776
RPL26	4976.29	5663.8	0.186701	0.814226
CCDC71L	2.39578	1.97418	-0.279239	0.638558
TGM2	94.4489	101.464	0.103365	0.926446
ANKRD36	0.250458	0.266689	0.0905894	1
ASB13	10.9592	6.57556	-0.736959	0.009453
RERE	3.18804	3.84737	0.271205	0.606359
LOC100506990	3.37892	2.66296	-0.343531	0.664776
ZNF514	0.955119	0.961447	0.009526	0.997036
MYH15	0.103757	0.0870691	-0.252972	1
RPL37	849.909	936.211	0.139525	0.884394
SLC25A27	0.979311	0.658761	-0.572013	0.319171
TMEM53	1.93195	1.85423	-0.0592328	0.985982
RNF213	1.02078	0.724539	-0.494543	0.383539
PFKL	48.2622	44.0126	-0.132979	0.875534
LOC100289341	1.34252	1.95928	0.545381	0.412057
BLOC1S3	9.65859	12.0471	0.318807	0.475025
TLE6	5.40468	1.46996	-1.87844	0.00134142
ZCWPW2	0.108632	0.0265596	-2.03215	1
ENO3	3.11603	1.94303	-0.681402	0.172302
PLSCR4	0.00440177	0	#NAME?	1
ZNF717	0.135459	0.102177	-0.406782	1
LINC00476	3.35527	2.97562	-0.173241	0.95598
VAMP4	2.10711	1.80492	-0.223327	0.795219
TPM2	75.8789	94.88	0.322406	0.371679
PJA2	2.97383	1.28782	-1.20739	0.00134142
EEF1B2	1842.12	2166.86	0.234238	0.681812
PARP10	4.20173	3.72003	-0.175666	0.869898
GPI	262.661	253.979	-0.0484915	0.979701

LEF1-AS1	0.273571	0.21595	-0.341214	1
TFPI	12.8568	6.51316	-0.981107	0.00134142
MACROD1	73.9338	70.4158	-0.0703338	0.96103
RPS21	6140.95	7323.66	0.254103	0.624818
CXorf23	0.408178	0.427511	0.0667642	0.979701
RPL37A	8978.48	10929.8	0.283719	0.566186
GUCY2C	0.00303391	0	#NAME?	1
ZNF20,ZNF625	1.4386	1.80328	0.325956	0.602221
KBTBD3	0.579268	0.393575	-0.557592	0.902703
KIAA1984-AS1	0.58584	0.594309	0.0207055	0.99862
TMEM42	10.39	5.90349	-0.815556	0.036526
CCDC15	0.0551074	0.0513696	-0.101333	1
COLQ	0.467039	0.672785	0.526603	0.486565
CBX2	6.09144	11.0595	0.860425	0.00134142
MAMDC4	2.02198	1.65516	-0.288797	0.739331
KLHL32	0.0241687	0.011733	-1.04257	1
LOC100144603	1.73641	2.17839	0.327153	0.900769
HSD11B2	7.20056	12.1201	0.751218	0.0183825
PARD3B	0.294044	0.116096	-1.34071	1
CASQ2	0.00450329	0	#NAME?	1
PCSK2	0.00299044	0	#NAME?	1
TRAF1	0.811478	0.771701	-0.0725097	0.979701
SPEF1	0.107291	0.193216	0.848691	1
C6orf223	0.107386	0.0276534	-1.95728	1
GAS2L3	0.261605	0.146199	-0.839454	1
GNAZ	3.50904	4.27064	0.283375	0.638558
NUDT6	4.16906	3.15053	-0.40413	0.513433
RPL13A	8275.72	9491.97	0.197824	0.845125
IRF2BPL	7.39478	11.9404	0.691272	0.0156972
MXI1	8.89791	7.3632	-0.273134	0.563967
GOLGA6L10	0.0460387	0.0378135	-0.283946	1
LRRRC28	3.25058	2.45061	-0.407555	0.548694
EHD2	6.42158	5.16581	-0.313934	0.545771
CAPS2	0.0462591	0.0173043	-1.41861	1
ZNF479	0.00530714	0	#NAME?	1
HSPG2	1.19278	1.42237	0.253967	0.684082
MGC21881	1.08615	1.06292	-0.031183	0.992797
JAG1	1.26219	1.53583	0.283086	0.65899
KRT8	17.4242	13.5599	-0.361744	0.947716
ZNF337	3.21249	2.64419	-0.280864	0.627251
FAM81B	0.00794544	0	#NAME?	1
FAM182A	0.0196223	0.0348592	0.829046	1
CCDC147	0.293767	0.158627	-0.889033	1
CCDC102A	4.59249	4.37404	-0.0703106	0.977332
RHPN1-AS1	2.24939	2.8466	0.339706	0.651901
LOC100506023	0.0365003	0.02799	-0.382998	1
GPX4	334.056	341.754	0.0328712	0.986822
GSTT1	44.2267	38.8707	-0.186233	0.774949
FAM86B3P	1.73958	0.791339	-1.13638	0.0447795
S100A3	3.20746	5.19427	0.695489	0.216749
NPEPL1,STX16	27.5702	25.8439	-0.0932838	0.955758
CCDC71	12.4944	14.4602	0.210808	0.754654
CDH24	9.09027	12.5614	0.4666	0.147024
ZBTB42	3.83516	5.71878	0.576423	0.0857334
GLTPD1	18.5641	30.1561	0.699934	0.00743393
SMPDL3B	1.60787	0.779709	-1.04414	0.0451064
DTTL	1.79554	3.52976	0.975147	0.781066
HIST1H2AI	0.813487	0.940451	0.209233	0.974044
BCL6	2.65155	3.64469	0.458958	0.273055
CRABP2	140.438	130.107	-0.110241	0.913628
LAPTM4B	1.1044	0.486921	-1.1815	0.0261279
NEURL2	1.63039	1.06526	-0.614009	0.96974
JMJD1C-AS1	0.743036	0.448186	-0.729335	0.976618
ZC3H10	2.60908	3.34424	0.358136	0.549043
LOC729603	0.220567	0.250135	0.181489	1
FGFR4	9.08994	10.6731	0.23163	0.714136
PEX5L	0.00804887	0.00593303	-0.440017	1
METAP1D	0.804531	0.713599	-0.173034	0.949025
C15orf56	1.34681	1.04143	-0.370983	0.956382
FAM227B	0.449907	0.235148	-0.936056	0.851892
RCCD1	8.12993	9.03825	0.152801	0.862523
PER3	0.197501	0.22842	0.209827	1
SLC25A26	16.6314	16.6074	-0.00208619	0.998668
ZNF491	0.238466	0.137966	-0.789469	1
CCDC38	0.00629867	0.017177	1.44736	1
TSIX	0.00688283	0.00808827	0.23283	1
LINC00652	0.00951756	0.0211185	1.14984	1
PRSS53	3.51106	3.77488	0.104525	0.979701
SOX15	0.393916	0.940054	1.25486	0.920945

C1QTNF9	0.0141146	0	#NAME?	1
IMPDH2	236.755	202.365	-0.226438	0.650075
BTD	1.1796	1.35146	0.196216	0.898524
TRAF6	1.53815	1.41918	-0.116133	0.924371
GRIP2	0.0569881	0.158492	1.47567	1
C7orf45	0.0116439	0	#NAME?	1
C2orf88	0.85504	1.62472	0.926129	0.00743393
FAM200B	3.0198	2.92243	-0.0472828	0.98015
DNAJB4	2.9251	3.17282	0.117283	0.934181
ZNF32-AS2	0.352524	0.371037	0.0738396	0.993108
INADL	1.48694	0.774161	-0.941643	0.00134142
FRMD5	1.9388	0.746356	-1.37722	0.00243047
ATP8B1	0.0087736	0.00647562	-0.438149	1
METTL21EP	0.0056527	0	#NAME?	1
DPP7	274.174	356.141	0.377358	0.26122
TUBG2	11.6477	14.7061	0.336365	0.456016
ZFAS1	571.093	604.268	0.0814609	0.956657
FUT11	3.04334	2.54166	-0.259886	0.787528
FRYL	0.991293	0.928069	-0.0950791	0.950684
RPS6	4069.24	4391.95	0.110101	0.931471
IQCD	0.169906	0.0385558	-2.13971	1
LOC100505761	7.99733	9.34774	0.225099	0.770824
ZBTB4	6.38414	4.76054	-0.423365	0.191486
AGO4	1.60112	0.807918	-0.986804	0.00134142
RAC2	6.25596	3.41304	-0.874173	0.0314167
PTOV1	52.5328	70.2984	0.420273	0.187625
OSR2	7.88598	8.83049	0.163203	0.875727
C5orf42	0.137944	0.184599	0.420307	1
CNTLN	0.767087	1.04604	0.447474	0.360219
FAM72A	1.16471	0.637113	-0.870356	0.0924793
NLRC3	0.126772	0.144229	0.186125	1
ZNF510	1.3056	1.54876	0.246403	0.711487
VILL	0.183758	0.203994	0.150719	1
CRTAM	0.00509639	0	#NAME?	1
SLC2A4	0.602642	1.14392	0.924609	0.0749663
LRRC37A	0.0230753	0.0328122	0.507884	1
TLE2	26.9046	23.4192	-0.200156	0.749584
SPIN4	1.29869	1.22332	-0.0862551	0.966946
PYDC1	0.392084	0.559602	0.51324	0.979733
KDM8	0.477146	0.826485	0.792557	0.201085
LOC100507053	0.0216548	0.0133262	-0.700424	1
RPL32	1188.84	1316.53	0.147187	0.871051
C1orf53	1.4921	3.46714	1.2164	0.061906
LOC100129550	0.86246	0.596371	-0.532247	0.246685
SOX8	14.1767	33.3232	1.233	0.00134142
RPS11	5080.97	5977.34	0.2344	0.699422
FAM76B	1.55256	1.09414	-0.504847	0.242534
AQP11	0.864816	0.807019	-0.0997911	0.974044
ZNF646	1.93212	2.04903	0.0847582	0.974044
SLC15A1	0.00446426	0.00317564	-0.491372	1
RGMB	7.18615	7.62206	0.0849613	0.952469
C22orf39	10.7771	10.5493	-0.0308144	0.989344
LOC645212	3.74446	2.99857	-0.320486	0.62566
C1orf50	9.46962	7.85613	-0.269488	0.699313
RAPGEF5	0.70892	0.726883	0.0360996	0.989869
INHBE	0.518195	0.237272	-1.12695	0.113441
PTPRH	0.701985	0.152485	-2.20277	0.00134142
H6PD	2.73547	1.6409	-0.737301	0.010797
OR13A1	0.00760954	0	#NAME?	1
SGSM2	8.04613	8.88092	0.142415	0.870747
HLA-G	0.0832705	0.0393287	-1.08222	1
ASIC1	5.90528	6.42715	0.122174	0.918342
ZNF793	0.00457617	0.0110882	1.27682	1
STARD8	0.0187624	0.0196154	0.0641404	1
PRH1,PRR4	1.7917	1.8043	0.010112	0.998905
ZEB1-AS1	2.65735	1.66676	-0.672945	0.103533
TRANK1	0.0307055	0.0119844	-1.35734	1
CLK3	15.7764	19.164	0.280631	0.539266
SHANK3	4.99469	8.15322	0.706975	0.00818401
ITGAX	0.70308	0.342611	-1.03712	0.030165
BLCAP	32.6885	38.9525	0.252929	0.576888
LRRC23	5.4651	3.59864	-0.602797	0.128341
FAM57B	0.149504	0.0899868	-0.732395	1
ALDOA	3838.87	3809.68	-0.0110116	0.996453
NRTN	7.43875	9.26943	0.31742	0.728766
RPS5	4241.66	5205.56	0.295424	0.536372
REV3L	0.437293	0.535482	0.292239	0.665706
MSH5,SAPCD1	7.01947	4.65648	-0.592122	0.222289
METTL7A	0.00907535	0.0124452	0.455566	1

LFNG	2.07892	6.23862	1.5854	0.00134142
NKTR	1.21494	1.76341	0.537479	0.570441
COBL1	0.0838813	0.0676387	-0.310502	1
CCDC121	0.19881	0.071361	-1.47819	1
USP4	2.86209	3.06438	0.0985243	0.949827
RPL18A	4823.28	5945.12	0.301692	0.492222
ADAMTSL1	0.641325	0.665571	0.0535362	0.991459
PTBP2	2.8023	2.53662	-0.143702	0.898751
C19orf33	222.234	244.031	0.134984	0.936488
ALX3	1.22739	1.74459	0.507297	0.550253
DDX26B	0.915044	0.700701	-0.385043	0.563967
D2HGDH	7.49354	5.15674	-0.539188	0.173163
LOC100130357	0.13734	0.142671	0.0549413	1
SLC29A4	12.1154	12.1286	0.00156939	0.998921
SNTB1	0.00277911	0	#NAME?	1
GATM	0.189811	0.143796	-0.400539	1
SLC5A12	0.00361824	0	#NAME?	1
FUNDC2	18.7043	21.143	0.176808	0.778996
MYC	206.111	245.719	0.253589	0.580744
LINC00482	0.0592817	0.00526439	-3.49325	1
DNAJC27	0.579075	0.510614	-0.181518	0.907415
CPEB2	0.190614	0.146206	-0.382651	1
RPS25	4025.53	4347.24	0.110921	0.926258
ZP3	10.0029	7.92716	-0.335535	0.550253
GLT8D2	0.0828438	0.131922	0.67122	1
CRTC1	3.12839	2.5049	-0.32067	0.501695
KCTD16	0.00231584	0	#NAME?	1
ADAM20	0.0121857	0.0114883	-0.0850331	1
EIF3L	233.123	242.323	0.0558427	0.974044
CHKB,CPT1B	14.3455	14.0576	-0.0292417	0.990315
MBLAC2	1.15296	1.3892	0.268918	0.716391
SLC35E2	2.8372	1.98794	-0.513193	0.44093
ZNF584	4.79285	9.12552	0.929023	0.00134142
C20orf202	0.00879441	0.00743984	-0.241314	1
ODF3B	8.48303	3.53171	-1.26421	0.0132924
RBM12B-AS1	0.763212	1.37753	0.851925	0.952216
SEPT7P2	1.4483	1.69191	0.224289	0.844123
TMPO-AS1	1.24168	0.917132	-0.437096	0.958104
FZD5	2.21637	2.87486	0.375292	0.365268
LPP	1.6356	1.14397	-0.515777	0.0851035
TEKT4P2	7.48345	9.24752	0.305363	0.721145
MMP24	3.84153	4.54965	0.244075	0.698798
FAM211B	7.43774	6.21273	-0.259637	0.89239
LOC100130581	0.528605	0.130245	-2.02097	0.0101293
CECR6	0.430869	0.591549	0.457249	0.571112
TGFBR1	5.37959	5.51797	0.0366407	0.984917
ZBTB25	2.40132	1.41407	-0.763974	0.0914856
MAPK8IP1	0.848648	0.622654	-0.446737	0.63573
HSPA1B	44.6988	278.99	2.6419	0.00134142
RPL18	3033.73	3630.44	0.259053	0.616434
PHPT1	110.033	159.783	0.538183	0.0470437
WSB1	33.4809	16.7455	-0.999564	0.00134142
KIAA1841	0.292928	0.354462	0.275083	0.825249
MAPK8IP2	0.841312	0.643156	-0.387473	0.746092
RNASL	0.428619	0.242863	-0.819556	0.135648
FLJ30679	0.101104	0.0908411	-0.154421	1
STS	0.159573	0.479549	1.58746	0.00134142
CRTP	30.4617	26.2314	-0.215699	0.681092
DGCR8	5.00933	16.5989	1.7284	0.00134142
RCBTB2	0.249967	0.482347	0.948332	0.10104
AXIN2	0.658612	0.703343	0.0947983	0.972409
ZYG11B	1.42725	1.25837	-0.181685	0.830817
RABL2A	1.10194	1.2715	0.206486	0.897202
DBIL5P	0.248521	0.337792	0.44277	1
C19orf71	0.269391	0.660561	1.29399	0.88962
SLC22A18	11.2078	6.02998	-0.894272	0.0200038
POLH	1.64781	1.89095	0.198561	0.95534
NEB	0.00539131	0.00657557	0.286479	1
CCDC23	10.8119	9.31867	-0.214424	0.877187
RAC3	168.515	259.495	0.622832	0.0150729
C5orf54	1.11467	0.882266	-0.337331	0.679982
PFN4	0.234106	0.159313	-0.5553	1
ZNF43	0.00220199	0	#NAME?	1
RPL10	1561.98	1666.63	0.0935611	0.952469
ZNF84	3.13339	3.08769	-0.0211991	0.991767
ZBTB9	5.63467	9.03499	0.681191	0.0167292
ZMYM1	1.48152	1.52591	0.0425965	0.986822
PAQR6	2.70291	1.43848	-0.909964	0.790805
SNX33	21.5296	14.7677	-0.543875	0.0584113

SYCP3	0.116638	0.155124	0.411378	1
FAM104B	5.88708	8.1877	0.475906	0.247003
TMEM134	22.2507	22.6556	0.0260174	0.991767
ZDHHC1	2.90493	1.52627	-0.928493	0.0580464
LOC100134868	0.488981	0.421328	-0.214834	0.938305
LINC00630	0.204234	0.271012	0.408132	1
ZNF526	2.87606	4.50128	0.646241	0.0394523
NME3	61.0633	65.67	0.104928	0.931916
SAT2	105.01	99.0506	-0.0842859	0.979046
ZNF691	6.13368	8.35487	0.445864	0.271991
RPL30	5910.17	6397.85	0.114388	0.924847
LRRRC73	1.85938	1.3613	-0.44983	0.622297
KIAA0087	0.00284599	0.0036123	0.343985	1
DDHD2	2.73123	2.56342	-0.0914834	0.950929
OSCAR	2.03427	1.07759	-0.916698	0.0888791
KLHL10	0.0723691	0.0367842	-0.976286	1
PDK1	17.72	9.01199	-0.975457	0.00134142
LRRRC3	1.42557	2.37031	0.733537	0.108427
ABCA10,ABCA5	0.354972	0.3722	0.0683722	0.979701
KIF13A	1.1172	0.906201	-0.30198	0.707294
ARL13A	0.0125403	0.00577041	-1.11982	1
TTC3P1	0.0992383	0.105208	0.0842691	1
CGNL1	0.0224862	0.0290936	0.371665	1
BCDIN3D-AS1	0.110134	0.0846385	-0.379878	1
CAMKK1	4.37957	4.14675	-0.0788052	0.965573
HAL	0.086985	0.199231	1.1956	1
TBX19	0.496433	0.351715	-0.497191	0.589726
MIR4315-1,PLEKHM1P	1.44105	1.28467	-0.16572	0.954677
SSR4P1	0.420187	0.300669	-0.482853	0.724424
UNQ6975	0.0131058	0	#NAME?	1
LOC338758	0.0371264	0.102927	1.4711	1
LOC100131564	0.221598	0.113092	-0.970446	1
ZNF502	1.2849	1.1581	-0.149895	0.920101
RFPL1	0.0104461	0.00892811	-0.226535	1
ZNF251	5.27612	6.8854	0.384063	0.305504
IRGM	0.0093568	0.0059441	-0.654383	1
LOC100130015	2.83394	3.0866	0.123208	0.979701
LOC649395	0.0146395	0.0148018	0.0159098	1
LY6G5B	2.56185	4.94723	0.949433	0.0477866
XRN1	1.16386	0.791097	-0.556993	0.0908564
SUZ12P1	3.54551	5.49029	0.63089	0.222109
C1QL3	0.302612	0.225467	-0.424558	1
RPL31	4051.28	4658.65	0.201535	0.766011
FOX2-AS1	2.86207	5.60935	0.970775	0.00425224
TRIP11	0.759896	0.760191	0.000559203	0.999493
RRAGB	2.85247	2.77964	-0.0373167	0.988657
RBM47	0.0238037	0.00922082	-1.36822	1
LMNA	71.3283	92.5274	0.375406	0.290201
SMA4	0.405833	0.348388	-0.220192	0.922247
PPM1N	3.70575	3.11519	-0.250444	0.813038
PLEKHO1	20.2915	26.4192	0.38071	0.291851
FASN	28.119	59.1198	1.0721	0.00134142
LOC145820	0.00553036	0.00330688	-0.741901	1
MGC12916	2.59902	5.46264	1.07163	0.00134142
CHRD	1.95876	1.98375	0.0182871	0.995352
ZNF432	1.01574	0.780315	-0.380408	0.605975
PLEKHG5,TNFRSF25	12.7731	13.2688	0.0549281	0.984917
SEPP1	0.00603283	0.00808959	0.423232	1
LIN37	7.90122	9.00729	0.189018	0.851815
RPS10P7	1.40956	0.910368	-0.630728	0.532313
CPT1C	4.06173	3.21587	-0.336886	0.578521
P4HA1	26.144	11.6209	-1.16976	0.00134142
SYT3	0.068899	0.0502989	-0.453956	1
CRELD1	10.2301	5.79729	-0.819377	0.00243047
HABP4	13.0411	16.6566	0.353032	0.314596
IGFLR1	3.11889	2.63061	-0.245636	0.862843
BNIP3L	39.2928	17.1296	-1.19778	0.00134142
KANSL2	9.44544	10.3003	0.124999	0.902309
DIRAS3	0.166308	0.22088	0.4094	1
PIGV	4.38494	2.26939	-0.950254	0.00337323
C4orf3	80.1522	64.5029	-0.313378	0.406031
PTPRF	20.1841	20.2637	0.00567661	0.997082
LSM11	1.70416	1.26122	-0.434243	0.474273
KIF12	1.02535	0.456391	-1.16777	0.0611798
NOV	2.97557	1.92544	-0.627977	0.107348
KLF5	1.64738	1.35546	-0.281396	0.726892
PIPOX	0.0571758	0.0462599	-0.305643	1
SIRT2	33.5544	32.8693	-0.0297606	0.991767
MAPK3	63.6394	52.7031	-0.272032	0.505095

NEU3	0.501965	0.475514	-0.0780988	0.980247
LOC648987	1.22277	1.42305	0.218828	0.875369
CCDC141	0.00134078	0.000795804	-0.752589	1
ZRANB3	0.474317	0.197786	-1.26191	0.0183825
PHF13	4.92122	6.19923	0.333075	0.445908
C15orf39	6.21078	10.4695	0.753348	0.00743393
CASP5	0.0182666	0.0524333	1.52128	1
MOCS3	4.11713	4.84166	0.233862	0.724424
LRRC14	8.45523	14.8269	0.810303	0.0995023
RPL27	4443.11	4921.89	0.147642	0.870516
CBR3	15.2704	12.8246	-0.251814	0.69673
FAHD2CP	4.72632	2.63595	-0.842394	0.0917667
LOC100270746	2.85951	2.31315	-0.305912	0.845424
LOC100506963	2.48353	2.65594	0.0968311	0.986822
GLUD1P7	0.028928	0.0182495	-0.664612	1
RPS2	10153.1	11428.6	0.170728	0.865541
DNAJC4	17.561	14.0985	-0.316842	0.532711
PPP1R35	64.4657	74.6502	0.211616	0.743209
NOL3	16.6601	17.1103	0.0384676	0.990315
LOC151009,LOC440894	3.55325	4.3104	0.278682	0.648732
VPS9D1	2.11635	1.74548	-0.277959	0.978703
HRNR	0.00342718	0.0014784	-1.21299	1
LOC253039	1.94675	1.11515	-0.803838	0.0288382
TMEM74	0.00716956	0	#NAME?	1
BOD1L1	0.592431	0.918891	0.633247	0.0580464
FAM161B	0.328628	0.200963	-0.709528	1
FOXN3	2.8384	0.905418	-1.64842	0.00134142
LEKR1	0.0880078	0.0540158	-0.70425	1
LOC154761	1.53575	0.385684	-1.99345	0.00134142
ACBD4	8.34525	5.1391	-0.699439	0.0447795
ZMYM3	5.90151	4.24691	-0.474671	0.936616
CRB3	1.71604	0.457497	-1.90725	0.200886
ZNF512B	0.0275215	0.0542078	0.977942	1
SIAE	5.85455	4.9436	-0.243997	0.892588
HNRNPA1P33	0.0311407	0.0254815	-0.289351	1
RASGRF1	0.00305624	0.00259323	-0.237007	1
LANCL2	2.19379	3.88678	0.825151	0.00337323
ZNF878	0.319812	0.580252	0.859453	0.224751
HDAC6	1.86574	1.21716	-0.616232	0.135336
TTN	0.0138981	0.0122129	-0.186483	1
LONRF2	0.00100109	0.00353659	1.82079	1
MIB2	8.37875	9.61438	0.198459	0.812413
CACNB2	0.0852165	0.0912985	0.0994587	1
IZUMO4	0.116153	0.349773	1.59039	0.229068
REEP2	37.7715	30.0197	-0.331389	0.371679
AP3M2	4.03571	6.00779	0.574012	0.0539552
MORC2	3.39376	4.94458	0.542963	0.109667
FAM131B	4.49618	2.81494	-0.675595	0.0283563
ASB14	0.19812	0.246972	0.317976	1
PCIF1	10.4381	9.05437	-0.205172	0.763481
DLEU2	0.176946	0.227207	0.360695	1
RPL13P5	0.95842	0.59275	-0.693236	0.622998
OR2A7	0.608515	0.536468	-0.181801	0.950929
LINC00672	0.123081	0.0559313	-1.13788	1
SEZ6L2	22.7031	17.1175	-0.407417	0.214291
MIAT	0.0335486	0.0374947	0.160433	1
HSPA1A	2.56087	14.5281	2.50413	0.00134142
CHST13	0.291828	0.173344	-0.751485	1
LOC100505875	0.226685	0.133764	-0.760996	1
KCTD21	0.880987	1.0725	0.283787	0.772137
OSGEPL1	1.69655	0.959317	-0.822521	0.064193
GIGYF1	17.13	20.1616	0.235086	0.633551
ZNF302	3.34713	3.33876	-0.00361338	0.998508
ATRAID	92.0844	80.6976	-0.190432	0.89272
MATN2	0.00968537	0.00534164	-0.858523	1
SLCO1B3	6.61267	3.95336	-0.742152	0.00882987
SAMD9L	0.0609025	0.0314279	-0.954455	1
NOP14-AS1	2.44589	1.97163	-0.310968	0.948179
ZNF91	0.661936	0.943537	0.511389	0.238089
RPLP0	5992.53	6253.17	0.061422	0.977332
VPS37D	17.5003	11.1086	-0.655706	0.0515434
KIAA1211L	0.187474	0.206344	0.138357	1
C15orf62	0.293145	0.358424	0.290051	0.946274
BCRP2	2.64683	3.50864	0.406649	0.44306
SLC25A35	1.4768	1.61464	0.128741	0.990857
PAQR8	1.46083	0.884499	-0.723857	0.0573356
STAU2-AS1	0.0240747	0.0115022	-1.06561	1
SNORD10	10.8866	7.1978	-0.596931	0.961224
DALRD3	31.5079	27.0366	-0.2208	0.931949

TIGD6	0.858246	0.541276	-0.665028	0.905536
NR5A2	0.02227	0.0293149	0.396534	1
FAM160B1	1.76728	1.6585	-0.0916558	0.954677
LOC100132273	1.0034	0.811223	-0.306724	0.837677
SLC24A2	0.00114331	0.000675128	-0.759988	1
HEXIM2	4.74941	3.25037	-0.547145	0.289628
RPS12	7560.98	8224.99	0.121441	0.920028
THAP3	20.8528	23.4276	0.167967	0.955709
HOXA13	0.605717	0.614557	0.0209012	0.996079
CELF6	0.531183	0.424404	-0.323771	0.808495
TMEM8B	4.16289	2.09606	-0.989909	0.0150729
CCNI	47.8478	29.0668	-0.71908	0.00337323
WNT11	6.7085	7.54562	0.16965	0.877521
SPEF2	0.398532	0.166354	-1.26044	0.0326415
LOC344595	0.62937	1.04386	0.729955	0.098844
LOC100499405	0.00605542	0.00486115	-0.316931	1
CCNB1IP1	135.762	105.168	-0.368393	0.280157
ZNF226	3.96052	3.11111	-0.34826	0.66589
ALPK1	1.34033	0.395803	-1.75973	0.00134142
LOC731275	0.323238	0.233245	-0.47075	1
NPC2	234.918	228.8	-0.0380729	0.984501
LOC100129917	0.251	0.272112	0.116512	1
FAM162A	280.527	231.39	-0.277812	0.502813
RPS29	8954.83	9618.94	0.103213	0.931471
PDE4A	1.01032	0.665403	-0.602508	0.239642
ZIC5	1.2619	1.54554	0.292509	0.69598
CDK9	40.496	67.761	0.742678	0.00337323
REEP6	16.4373	12.7241	-0.36941	0.441876
NLGN2	19.1463	17.6358	-0.118559	0.902703
FRY	0.00254911	0.00104771	-1.28276	1
FAM115C	1.43098	0.618133	-1.21101	0.00134142
PCP2	0.712533	0.198351	-1.84491	0.747687
OGT	12.5711	11.901	-0.0790355	0.990324
FBXW8	1.31994	0.898277	-0.555238	0.211321
ACOT6	0.0162166	0	#NAME?	1
TCAIM	5.52363	2.82995	-0.964841	0.00134142
FBXW10	0.0527254	0.032388	-0.703041	1
CEBPA-AS1	2.39492	4.00477	0.741741	0.0710419
ACTR8	2.88507	3.13848	0.121461	0.922006
C11orf68	50.9901	78.6094	0.624484	0.0172978
DST	0.985613	0.636287	-0.631344	0.0370005
SPSB2	8.24328	11.2567	0.44949	0.965148
DGCR5	0.0924375	0.19085	1.04589	1
DRAM2	18.6841	11.635	-0.683339	0.0860016
LRP4-AS1	0.280016	0.165628	-0.757565	1
PGK1	664.39	613.568	-0.114807	0.921486
SELM	327.538	473.395	0.531383	0.0501327
C5orf30	3.89909	5.08924	0.384312	0.326632
LOC730091	0.00414226	0	#NAME?	1
SPATA7	3.15293	1.60999	-0.969638	0.00882987
LOC100287177	19.1136	12.4504	-0.618407	0.505561
EML6	0.417514	0.315375	-0.404753	0.545981
PROK1	0.0129713	0	#NAME?	1
RNF207	1.48054	2.45829	0.731528	0.797744
PGM5-AS1	0.21995	0.0465878	-2.23915	1
SYT15	0.824891	1.01345	0.296996	0.849725
C6orf57	11.9852	5.22399	-1.19803	0.00509212
ZNF136	0.846838	0.675578	-0.325963	0.707375
LOC100506100	5.9055	7.36003	0.317652	0.968521
ABCA7	1.91434	1.58483	-0.272522	0.714446
MUC12	0.231828	0.427845	0.884035	0.0227017
TGFB111	47.0345	29.0917	-0.693109	0.0114515
AGSK1,LOC727849	0.22624	0.210712	-0.102587	1
ZNF77	2.06104	2.6399	0.357111	0.566357
LPIN3	3.01091	2.22771	-0.434638	0.498433
SACS	0.634533	1.26459	0.994901	0.00134142
RPL29	4592.88	5169.67	0.170672	0.835511
SIK1	9.99743	9.36639	-0.0940637	0.942519
CAV2	2.59739	1.93103	-0.427696	0.330501
TOMM7	296.065	312.413	0.0775372	0.954677
SERTAD2	4.95947	3.88854	-0.350958	0.34147
FRG2	0.00686218	0	#NAME?	1
PUSL1	34.9759	63.0078	0.849171	0.275061
SLC9A5	4.02939	5.14051	0.351351	0.448101
EML3	13.7309	13.4758	-0.0270532	0.990324
HLA-B	367.701	459.59	0.321814	0.397705
MBIP	4.61824	3.61213	-0.354491	0.480572
CXXC5	3.53514	5.30359	0.5852	0.255176
LOC284889	1.63794	2.93679	0.842352	0.942842

NMNAT3	2.26467	1.10729	-1.03227	0.0194494
PLD2	9.05861	7.68493	-0.237258	0.671133
IGBP1	57.9543	40.2772	-0.524953	0.0573357
PRPSAP1	21.3241	23.8273	0.160131	0.829471
PHF3	4.50063	3.47387	-0.373583	0.275042
C11orf35	1.8312	0.791083	-1.21089	0.336176
LOC729013	5.52341	3.27459	-0.754244	0.0655915
LINC00085	0.36746	0.80424	1.13004	0.0710419
CACTIN-AS1	0.148222	0.0612372	-1.27528	1
STX1B	0.438781	0.21284	-1.04373	0.061906
DPH3P1	0.814945	0.704647	-0.209803	0.989365
C1orf170	0.803778	0.795795	-0.0144003	0.997036
HERC3	2.29325	1.13228	-1.01817	0.009453
CIB2	18.4045	18.7713	0.0284746	0.990315
DAZAP2	28.1127	20.1105	-0.48327	0.727456
CDKN2C	12.5526	4.61413	-1.44385	0.00134142
KLHL7	9.8506	8.59101	-0.197385	0.869885
GAD1	8.42618	6.07195	-0.472718	0.432272
CSRN2P2	4.76653	6.12477	0.361717	0.33121
GALT	11.1418	10.3209	-0.11041	0.937403
GPR34	0.00724914	0.0182422	1.33139	1
LOC100131094	0.222573	0.362911	0.705339	0.977626
HMMR	1.36061	1.13376	-0.263143	0.757054
TEX22	0.230781	0.185157	-0.317777	1
EIF4A2	128.501	104.071	-0.304212	0.537931
GNPMB	0.157324	0.11633	-0.435521	1
LTBP3	6.94238	10.4664	0.592261	0.662877
DUSP19	0.384222	0.226856	-0.760159	0.164652
SLC25A42	3.30433	2.40849	-0.456233	0.344865
NRDE2	1.62014	1.99173	0.297899	0.638499
GP1BB,SEPT5	7.68288	10.0805	0.391846	0.752981
N4BP2L1	0.518162	0.140106	-1.88688	0.00509212
GOLGA8EP	0.00238269	0.00345933	0.537902	1
ZNF18	1.5838	1.04714	-0.596938	0.212535
RPS15A	3998.79	4300.46	0.104926	0.92969
CTAGE10P	0.00441639	0.014822	1.7468	1
ZMYM2	1.6585	1.12559	-0.559197	0.0704662
SMCR7	18.3314	8.66725	-1.08067	0.00134142
CPZ	21.6553	18.7331	-0.209129	0.737375
MED12	2.74627	1.95255	-0.492116	0.166955
BRPF1	5.29092	7.56889	0.516563	0.0865352
NLGN3	0.695351	0.557552	-0.318633	0.75494
TAGLN	50.0938	138.664	1.46889	0.00134142
CREBZF	4.77463	6.89113	0.529352	0.0688198
STOX1	2.06945	1.81532	-0.189027	0.953738
NDUFB2-AS1	1.21551	1.49744	0.300939	0.983594
SH3BGR	2.34646	1.26059	-0.896394	0.0757506
SS18L1	2.28278	3.2392	0.504848	0.156997
STAT5A	7.02028	5.1191	-0.455639	0.165314
NBPF16	4.49213	5.75919	0.358466	0.343157
PLSCR3,TMEM256	232.692	226.908	-0.0363138	0.989268
FGD3	3.45457	2.00573	-0.784376	0.0261279
CAB39L	2.70188	2.12176	-0.348702	0.474499
EPB41L4A-AS1	65.9554	51.4377	-0.358663	0.300705
HSPA12B	0.149766	0.468198	1.6444	0.0523239
C9orf41	0.760533	1.13235	0.57424	0.328112
ZNF322	2.90295	3.34239	0.203359	0.767061
MYO15A	0.0162274	0.0132113	-0.296657	1
HGSNAT	4.82391	4.76781	-0.0168774	0.99351
PON3	0.797895	0.628145	-0.345101	0.799188
PRSS16	2.38328	1.31269	-0.860421	0.0314167
RPL21	3378.87	3597.94	0.0906315	0.947008
LINC00094	2.0574	2.44538	0.249235	0.906464
ITPR3	34.4291	24.0456	-0.517859	0.0592084
ASPM	1.56484	2.02866	0.37452	0.386944
STPG2	0.0153427	0	#NAME?	1
ZNF347	0.0103652	0.0161828	0.642719	1
KIAA1009	0.252465	0.361318	0.517186	0.44093
YBEY	17.6446	12.4979	-0.497548	0.183686
TTC3	2.22988	2.75027	0.302612	0.505225
ZFX	1.77725	2.08612	0.231174	0.70303
BLOC1S4	20.4759	29.6449	0.533857	0.061906
PRMT6	5.75371	12.782	1.15155	0.00134142
TRPV2	0.358106	0.121488	-1.55957	0.0792619
TMED10P1	0.132212	0.148026	0.162992	1
PTGR2	2.00898	1.08276	-0.891753	0.0167292
NTN4	0.408293	0.183659	-1.15257	0.042771
FLJ30403	0.672454	0.661487	-0.0237224	0.995957
CCDC110	0.0781374	0.0419182	-0.898435	1

C20orf112	1.18904	1.34751	0.180496	0.863259
MEX3B	1.06823	0.799906	-0.417321	0.597789
PTPRR	0.296931	0.0377251	-2.97653	1
CUZD1,FAM24B	7.86168	7.86594	0.000781681	0.999427
USH1G	0.438855	0.39313	-0.158739	0.956807
ZNF841	1.64753	1.02971	-0.678067	0.0710419
TRIM34,TRIM6,TRIM6-TRIM	0.35619	0.112903	-1.65757	0.0270114
RPS14	3893.13	4409.17	0.179574	0.812413
NR2F1	3.19126	6.34101	0.990587	0.10104
EGOT	0.0099511	0	#NAME?	1
C9orf37	5.0621	6.73425	0.41178	0.928018
HERC2P3	0.514605	0.670229	0.38119	0.633275
ZNF229	0.00260225	0	#NAME?	1
ASB8	4.96096	4.44344	-0.158942	0.869885
RPS28	6034.64	7365.5	0.287516	0.515724
ARNT	4.57094	2.46002	-0.893824	0.00134142
OTUB2	0.96597	0.615822	-0.649465	0.180428
NOSTRIN	0.0254291	0.0289266	0.185912	1
RPL28	1707.89	2001.8	0.229084	0.837208
LMOD3	0.00300198	0.0118601	1.98213	1
FEM1C	2.60826	2.05761	-0.342115	0.418623
SESN3	0.107955	0.0264915	-2.02683	1
ALDH1L2	0.00306341	0.00702043	1.19642	1
HAUS4	35.4199	23.5922	-0.58625	0.0274653
SNORA15	1.86916	0	#NAME?	1
NFASC	0.00153234	0	#NAME?	1
LETMD1	36.171	18.4061	-0.974651	0.00134142
DKFZp779M0652	0.973528	0.925617	-0.0728073	0.990857
RBPJ	6.92418	4.6021	-0.58935	0.0270114
RAB11FIP5	18.5166	17.0017	-0.123137	0.894255
ZNF277	9.67375	4.48621	-1.10858	0.00134142
SYTL3	0.41753	0.15448	-1.43446	0.036221
ATAD5	0.513189	0.447021	-0.199148	0.875369
SDC3	2.85022	3.07472	0.109385	0.936047
EXTL1	0.0431671	0.0431477	-0.000648425	1
PRICKLE4	1.72676	1.5954	-0.114153	0.966566
NUDT16P1	2.58276	2.99672	0.214469	0.851624
RPS16	4806.17	5489.77	0.191858	0.787871
INO80B,WBP1	61.8878	58.4673	-0.0820266	0.954677
RPL38	3971.81	4633.76	0.222385	0.690726
LOC256880	0.0828294	0.0894733	0.111314	1
DUSP8	4.71085	4.17512	-0.17417	0.984917
RALGDS	41.185	41.2309	0.00160383	0.998764
AMPD3	2.79542	1.59378	-0.810613	0.0145499
WEE1	23.0372	12.1285	-0.925566	0.00134142
GOLGA8T	0.134794	0.0798623	-0.75517	1
ZADH2	4.69223	4.13368	-0.182848	0.790241
LYST	0.217522	0.130228	-0.740116	1
MLH3	0.996599	1.43757	0.528549	0.137579
ZNF33A	2.21722	1.82398	-0.281658	0.563967
STARD10	25.6044	26.6244	0.0563603	0.974044
BTN3A1	1.12861	0.780134	-0.53275	0.315951
ANAPC16	19.9782	14.7426	-0.438437	0.241608
TMEM130	0.00647437	0	#NAME?	1
CD109	0.999255	0.623267	-0.681002	0.0436049
TOB1-AS1	0.732947	0.480036	-0.610565	0.948179
RPL27A	357.56	395.303	0.144774	0.872554
PRDM5	1.14249	0.512043	-1.15784	0.00818401
AP1G2,JPH4	12.6586	13.2747	0.0685546	0.974494
ZSCAN9	5.37181	5.897	0.134573	0.913628
EMR4P	0.00522305	0	#NAME?	1
KLHDC2	17.0701	9.94103	-0.780006	0.00337323
OXA1L	144.658	131.785	-0.134456	0.873414
PTPN4	0.490886	0.512936	0.0633902	0.978196
ALS2CL	5.42424	3.375	-0.684535	0.0274653
ZNF331	0.358715	0.186475	-0.943853	0.066512
SPATA20	27.9702	26.7625	-0.0636794	0.966946
CATSPER1	1.40641	0.383462	-1.87486	0.00134142
ACP5	0.159019	0.12021	-0.403646	1
SUV420H2	7.11045	6.38173	-0.155992	0.898291
TNNT1	134.489	124.589	-0.110309	0.913749
PFDN5	422.021	495.737	0.232261	0.639984
LTA4H	80.5024	68.1064	-0.241243	0.612137
ZNF329	2.62686	2.78517	0.084424	0.96103
DCLRE1B	2.52645	3.07167	0.281908	0.620271
CLUL1	0.0241835	0.013108	-0.883576	1
ACSBG2	0.0227398	0.0102415	-1.15078	1
MTFR1L	20.3087	21.7976	0.10207	0.92969
LOC283070	7.03692	6.13321	-0.198303	0.791291

PPP1R13L	2.92388	1.33184	-1.13446	0.959293
KLF15	4.19321	2.63295	-0.671375	0.077181
EVA1B	23.0459	32.0243	0.474659	0.214768
CASC5	0.348284	0.528805	0.602473	0.162979
DENND5B	0.484048	0.37204	-0.379693	0.524672
ZNF790	0.411347	0.545916	0.408323	0.742706
GAPDH	6982.13	6692.2	-0.0611877	0.979701
METTL18	4.05896	3.8854	-0.0630455	0.97749
FOXF1	1.91769	1.66192	-0.206518	0.887208
ZNF362	2.0177	1.39013	-0.537494	0.298465
CBX8	12.2937	12.2673	-0.00310912	0.998526
OR2H1	0.00458901	0.0230203	2.32665	1
RNF185	17.7304	11.8736	-0.578468	0.0345327
PHF7	1.3832	0.653811	-1.08107	0.0217078
OXLD1	40.1008	35.3109	-0.18352	0.844123
ZNF283	1.6658	1.79042	0.104088	0.956807
NIPSNAP3A	4.99019	5.19883	0.0590925	0.979701
RAB26	8.70821	5.15187	-0.757281	0.0373672
ACTG2	0.0736547	0.0442161	-0.736207	1
ZNF268	1.43871	1.86712	0.376039	0.388315
LOC286297	0.00603532	0	#NAME?	1
RPS9	3673.64	4280.65	0.22062	0.719177
C17orf59	12.0681	12.9502	0.101782	0.945946
BAZ2B	0.754255	0.315633	-1.2568	0.00134142
ZNF733P	0.0127492	0	#NAME?	1
LOC148413	8.3059	11.2811	0.441703	0.865567
MON2	0.978897	1.10184	0.170685	0.845969
TSPAN18	0.00397116	0.0115548	1.54086	1
PGAP1	0.738525	0.742153	0.00706986	0.997036
LOC339524	0.0179284	0.00955346	-0.908154	1
ZFHX4	0.00583937	0.00123303	-2.2436	1
GPRC5A	9.0965	3.34178	-1.44469	0.00134142
GNB4	0.0487477	0.137393	1.4949	1
ALOX12B	2.33485	0.69849	-1.74102	0.00134142
RAB41	0.0155796	0.0220784	0.50298	1
RFX3	0.411602	0.0875798	-2.23258	0.00593755
PGBD2	1.39498	1.91269	0.455359	0.41033
SERINC4	1.17741	1.42341	0.273735	0.986822
PCMTD1	2.34789	0.992455	-1.24229	0.00134142
RPL34	915.939	974.217	0.0889923	0.945602
ZBTB49	1.43424	1.96734	0.45596	0.373076
MYL9	70.6271	122.482	0.794272	0.00134142
LOC100130987	0.721138	0.455719	-0.662129	0.977358
CCDC149	1.06979	0.510181	-1.06824	0.00743393
WDR6	23.7681	34.0251	0.517571	0.255557
KIAA1755	1.31577	0.699549	-0.91141	0.0189207
RPL4	2969.88	3040.07	0.0337012	0.988657
POLI	2.11798	1.26531	-0.743192	0.0167292
TEX38	0.0423331	0.0135249	-1.64617	1
TMOD2	0.631227	0.721842	0.193523	0.844212
KCTD7	1.14444	1.13746	-0.00882967	0.997082
CD24	4.21051	3.45373	-0.28584	0.642966
ADAMTSL4	2.69058	1.51616	-0.827499	0.0217078
NPRL2	15.2002	20.7471	0.448823	0.499152
LOC645166	4.12362	8.12379	0.978243	0.0318033
EEF2	2005.39	1657.77	-0.274636	0.622505
RPL23A	2199.22	2418.02	0.136837	0.896399
EIF4B	137.263	117.25	-0.22735	0.668888
CCDC92	2.2689	2.60976	0.201924	0.888997
SLC13A1	0.0284901	0.0482282	0.759416	1
C8orf56	0.0482355	0	#NAME?	1
MTRNR2L2	43.5063	40.7938	-0.092874	0.977896
GAS6	21.5621	25.2471	0.227622	0.684267
ERGIC1	59.3242	62.741	0.0807899	0.953243
ATL1	0.622142	0.401473	-0.631943	0.294609
FLG	0.00100716	0.00160589	0.673076	1
PLEKHA1	3.36417	3.56936	0.085412	0.956807
CLVS1	0.0201857	0.0257468	0.351057	1
FAM210B	18.2911	15.5315	-0.235944	0.622934
NOD1	1.46743	1.40273	-0.0650543	0.979291
TREH	0.0092907	0.0067522	-0.460431	1
RDM1	1.52036	0.808375	-0.911319	0.112939
TMEM177	30.5453	49.1524	0.686309	0.00743393
VPS8	3.08357	2.58942	-0.251969	0.650037
BTBD6	41.0014	50.4536	0.299281	0.73595
AMACR.C1QTNF3	1.8777	1.20094	-0.644798	0.0909525
CAMK2N1	19.2325	14.7603	-0.38182	0.275061
RUNX1	7.13349	4.8417	-0.559096	0.0935542
WDR54	82.7226	54.16	-0.611053	0.0200038

C14orf93	5.2731	2.89027	-0.867446	0.0101293
GAB2	2.31618	1.13078	-1.03443	0.00134142
MRPS31P5	1.78308	1.38876	-0.360573	0.602148
IDNK	2.42553	1.81827	-0.41573	0.631872
NAPRT1	41.322	39.5649	-0.0626876	0.96926
PROS1	10.1949	6.72332	-0.600606	0.0283563
HYDIN	0.0694604	0.0438393	-0.663965	1
LOC285033	1.33613	1.35363	0.0187652	0.995515
PIAS3	5.98257	7.24587	0.276393	0.605151
ADRB1	0.303947	0.388372	0.353619	0.844285
AGXT2L2	8.24544	5.23509	-0.655382	0.940075
LOC100652768	1.50234	1.53983	0.0355578	0.99351
ST6GAL1	2.94247	4.02022	0.450249	0.21543
ANKRD36BP1	0.0693758	0.0770859	0.152033	1
LINC00339	9.68226	5.6557	-0.775639	0.030994
ATCAY	0.00331973	0.00241163	-0.461055	1
ZNF214	0.237537	0.181929	-0.38478	1
ZFP37	1.86742	1.5832	-0.238202	0.776787
ARHGAP19,SLIT1	1.95934	1.98626	0.0196895	0.99351
CCS	30.4969	33.108	0.118516	0.917453
EBI3	0.386149	0.392138	0.0222011	0.99714
RPSA	3504.95	3820.24	0.124266	0.917379
FTL	7782.42	8371.06	0.10519	0.943695
LYSMD4	2.54866	2.56996	0.0120069	0.997036
RPL35A	3570.14	3966.48	0.15188	0.865806
USP25	3.39914	2.69029	-0.337407	0.407592
ABHD15	5.01995	7.10014	0.500175	0.124933
C3orf65	0.027899	0.0221452	-0.333216	1
ELF2	3.11907	2.34815	-0.409589	0.340391
CIC	8.60221	11.4893	0.41751	0.196063
HAGHL	75.1347	72.397	-0.0535489	0.976214
DDAH2	39.7795	27.2552	-0.545492	0.0608269
LINC00324	0.790226	0.350901	-1.1712	0.0713011
ZBTB5	2.24967	1.9146	-0.23267	0.736044
ZSWIM3	1.04938	1.04657	-0.00387246	0.998564
HOXC11	4.97526	7.02551	0.497833	0.288546
TPT2P6	0.00963041	0	#NAME?	1
PCDH8	0.00794063	0.0115606	0.541896	1
DENND2A	0.0047713	0.0164503	1.78566	1
C7orf61	0.250686	0.536689	1.0982	0.366894
NUDT13	0.784211	0.643568	-0.285149	0.827278
SOX4	7.13867	7.76051	0.120497	0.909768
LOC440028	1.57679	0.282002	-2.48322	0.10214
RBM41	0.82742	1.12834	0.447504	0.485249
CXorf30	0.0273733	0.00992467	-1.46368	1
RMRP	98.2719	129.847	0.401965	0.349665
OBFC1	1.92495	1.2837	-0.584515	0.0868006
GCAT	98.5783	76.3086	-0.369424	0.261904
ZFP36L1	97.1243	80.4732	-0.271325	0.539964
ACADS	45.1232	35.9685	-0.327135	0.37244
FCGRT	34.5515	30.8464	-0.163643	0.830384
HIST3H2A	33.5099	20.014	-0.74358	0.0879449
PHF20L1	2.84059	3.17769	0.161789	0.862445
POGZ	4.25868	3.2844	-0.374775	0.297125
RHPN1	20.4305	18.3966	-0.151286	0.847835
PRDM1	0.161191	0.11341	-0.507229	1
ZNF200	2.96321	3.66897	0.308211	0.555498
LOC100131434	0.052071	0.0435356	-0.258282	1
FAM86JP	0.895252	0.376566	-1.24939	0.0501327
LOC100862671	3.93957	5.37826	0.449099	0.288804
NAIF1	3.29627	2.40955	-0.452075	0.307051
RPS27A	1716.84	1935.61	0.173034	0.817127
SHISA9	0.824494	0.989806	0.263636	0.74078
OPTN	25.3751	12.1072	-1.06754	0.00134142
RAD52	2.66044	1.54155	-0.787284	0.0288382
NUDT16	5.37544	7.87723	0.551307	0.641988
MTRNR2L4	0.174825	0.129865	-0.428902	1
DEAF1	32.4902	37.2547	0.197417	0.790283
MN1	0.00994126	0.0130958	0.397607	1
KIAA1191	30.7618	36.1536	0.232998	0.633344
PLIN5	1.30709	0.504261	-1.37412	0.0114515
LOC100130954	0.00709877	0.0121228	0.772076	1
UBE2O	8.25521	9.12035	0.143786	0.860257
RPS13	3179.48	3671.82	0.207705	0.73549
ZBTB18	1.73351	2.03671	0.232546	0.773635
DLL4	0.986273	1.19948	0.282354	0.797744
ZNF69	2.11147	1.90075	-0.151675	0.927661
IFFO2	7.34611	8.06253	0.134252	0.879947
MANBA	9.45555	3.99933	-1.2414	0.00134142

PLEKHA4	6.89597	3.48493	-0.984623	0.00134142
ZNF784	8.20185	6.20573	-0.402347	0.389384
ZNF550	0.366489	0.295338	-0.311401	0.91236
C18orf32,RPL17,RPL17-C1	3489.81	3833.49	0.135509	0.900578
PGAM4	0.149222	0.101954	-0.549539	1
HOXA4	4.66542	3.82661	-0.28594	0.71619
C12orf65	8.77075	10.7877	0.298611	0.529644
C7orf31	1.29267	0.853657	-0.598629	0.173163
PBLD	0.345003	0.220297	-0.647163	1
PI4K2B	2.63787	3.12333	0.243709	0.705893
SESN1	2.92949	2.76402	-0.0838823	0.965735
ZNF33B	2.10752	1.80168	-0.226209	0.716439
PARM1	1.21698	1.17171	-0.0546825	0.980556
RPL12	8183.19	7900.14	-0.0507846	0.979701
PITPNC1	5.60734	4.44751	-0.33432	0.357955
DGCR6	20.916	18.1358	-0.205768	0.78079
RPL7A	9687.81	10508.1	0.117265	0.938412
ZNF160	3.89752	2.38506	-0.708528	0.0172978
PHF15	3.25107	5.33473	0.714499	0.00672555
CREBRF	1.70035	0.413995	-2.03814	0.00134142
ZDHHC17	2.20442	1.9158	-0.202452	0.787869
PIK3R3	0.956375	1.39856	0.548293	0.177737
DCAF10	2.26917	0.941655	-1.26889	0.00134142
EGLN1	15.6189	10.9237	-0.515831	0.0678232
RPL24	3877.02	4277.75	0.141903	0.880139
CLK2	13.8331	14.3062	0.0485115	0.979701
PDDC1	13.3494	19.3362	0.534526	0.0554961
LOC100506713	1.19217	1.23747	0.0538018	0.991767
TM7SF2,VPS51	51.5261	44.7412	-0.203701	0.786271
SLC45A1	3.15943	1.14483	-1.46453	0.00243047
C9orf123	24.4515	23.9808	-0.0280416	0.988657
ARHGAP23	2.08982	0.812429	-1.36307	0.00134142
RAP2B	4.75828	5.29388	0.153884	0.844123
DCLK2	0.540683	0.677822	0.326125	0.750422
PRR15	2.35034	2.3628	0.00763163	0.99714
ZNHIT2	18.9372	35.1365	0.89175	0.00509212
ARHGEF4	0.00490801	0.00480992	-0.0291266	1
CHRM4	0.195132	0.187899	-0.0544932	1
FAM78B	2.92982	6.28507	1.10112	0.00337323
ZFAND1	39.3178	25.9384	-0.600092	0.0278845
OST4	470.66	624.942	0.409038	0.235468
PHLDA1	52.9073	45.3092	-0.22366	0.67045
POLM	5.08724	5.01729	-0.0199733	0.99351
ARHGAP12	4.68058	3.58891	-0.383141	0.293861
ZCCHC24	1.33174	1.17717	-0.17799	0.877493
FCER1G	0.521593	0.806024	0.6279	0.714729
MPI	44.2135	20.5004	-1.10883	0.00134142
CD5	0.00595189	0	#NAME?	1
TRIM4	7.71473	6.1694	-0.322486	0.431328
TBCK	1.29106	0.60841	-1.08544	0.664149
ANKRD9	14.591	11.6258	-0.327748	0.625
MGC39372	1.87009	0.452997	-2.04554	0.00337323
NIPBL	1.35644	1.24347	-0.125457	0.912776
ZNF680	1.29749	1.15504	-0.167771	0.900578
ZNF813	0.0108931	0.00865879	-0.331176	1
IFI35	5.38937	3.2447	-0.73203	0.0732879
KIAA1244	2.53548	1.44748	-0.808713	0.00134142
MIR1282	18.8606	79.5021	2.07562	0.845125
DCBLD1	0.511491	0.524677	0.0367204	0.997036
MBLAC1	3.16334	4.16169	0.39572	0.614657
RBL2	3.15333	1.98847	-0.665221	0.157488
NBEAL2	4.2422	4.02359	-0.0763299	0.979452
SEMA3A	1.47456	0.467215	-1.65813	0.00134142
SZT2	1.22004	1.19449	-0.0305421	0.992651
PTK6	3.48522	1.98574	-0.811575	0.0467709
MAST4	0.587967	0.208274	-1.49725	0.0340561
PHC3	1.32906	1.11923	-0.247907	0.649124
IRF2BP2	19.0716	10.4487	-0.868106	0.00134142
BAD	69.8072	76.9726	0.14097	0.908114
PMS2P3	0.85146	1.02462	0.267082	0.871957
RUFY1	9.18874	12.2879	0.419297	0.19909
C11orf71	5.77769	3.5876	-0.687474	0.322381
ZNF35	1.98001	3.60751	0.865492	0.0101293
GPR160	15.9595	10.3531	-0.624347	0.0227017
CLDN3	2.01124	0.701675	-1.51921	0.0467709
CROCCP2	17.4145	25.0407	0.523989	0.0924793
PHYH	30.1887	23.329	-0.371884	0.266528
TK2	3.93358	2.30292	-0.772378	0.00882987
ZFAT	1.32347	1.89707	0.519445	0.207647

POU6F1	1.61653	1.25167	-0.369045	0.504108
LLGL1	15.1382	15.3099	0.0162699	0.997036
HOTTIP	0.0614615	0.0903102	0.555207	1
PAM	10.0766	7.17455	-0.490048	0.0873591
CEP192	0.779541	0.67277	-0.212511	0.814226
DNAJC27-AS1	0.0123461	0.00509632	-1.27652	1
GNPTG	18.2133	27.5749	0.598363	0.150173
FAM193B	8.45177	8.73744	0.0479565	0.98015
C17orf58	15.5353	10.3946	-0.579713	0.0715857
SKOR1	0.526898	0.598868	0.184714	0.949972
CLDN22	1.43997	1.92252	0.416958	0.701167
IRF1	3.16616	5.85651	0.887309	0.00134142
CUL9	1.77612	1.22543	-0.535444	0.155066
HK2	34.2	23.9333	-0.514977	0.0688198
FAM86B2	0.870575	0.767679	-0.181465	0.952905
DNAH10	0.0738776	0.109576	0.568726	1
ELMO3	1.73826	3.46557	0.995445	0.00672555
CIRBP	94.9248	54.113	-0.810809	0.00243047
SLC16A5	5.15111	2.52891	-1.02637	0.0114515
C12orf23	9.60662	8.48527	-0.179067	0.7854
STC1	0.031052	0.0178497	-0.798784	1
C2orf74	0.0702268	0.0449165	-0.644779	1
PILRB	39.0687	45.987	0.235212	0.754797
DMXL1	0.732148	0.387228	-0.91895	0.00243047
LOC284751	0.271867	0.0500117	-2.44256	1
LOC100499489	2.42264	2.22533	-0.122559	0.952905
TMEM45B	0.0616523	0.0894523	0.536964	1
LOC100506082	0.151448	0.205605	0.441049	1
BRWD1-IT2	0.47795	0.385745	-0.309213	0.92856
C19orf26	2.61619	2.57165	-0.0247725	0.99451
LAMA5	2.69321	3.99156	0.567624	0.148987
TLCD2	1.15686	0.907944	-0.349537	0.543459
CD27-AS1	3.21366	1.54174	-1.05966	0.00243047
PAX8	1.05036	0.59185	-0.827583	0.506591
ZNF597	0.890809	0.903204	0.0199349	0.995957
INHA	0.427122	0.178397	-1.25956	0.272094
KBTBD6	1.10091	1.79105	0.702105	0.0410573
PACS1	16.929	15.5863	-0.119211	0.907145
RDX	0.00941152	0	#NAME?	1
TRIM16L	4.55505	3.97052	-0.198138	0.837208
ERCC6,PGBD3	1.35629	1.01676	-0.415688	0.546592
DHPS	41.9062	32.3005	-0.375609	0.819877
MPG	160.924	134.128	-0.262768	0.771117
ARHGAP32	1.50218	0.799503	-0.909878	0.00134142
NHEJ1	7.1061	9.10933	0.358286	0.373156
LOC100379224	1.85557	1.96921	0.085748	0.964247
PCSK6	4.86983	5.28887	0.119089	0.942827
MTRNR2L8	32.787	30.4526	-0.106558	0.922401
PNPLA3	0.668764	0.41467	-0.689533	0.27191
ADHFE1	0.244425	0.369685	0.596905	0.610107
PMS2	1.0686	0.649112	-0.719186	0.149876
EPAS1	2.08256	1.00124	-1.05657	0.00134142
ZRANB2-AS1	0.0257919	0.0189892	-0.441733	1
PAOX	5.6089	3.92695	-0.514308	0.280157
FAM45A	6.33615	4.98997	-0.344576	0.430764
ZFP14	0.229886	0.242754	0.0785779	1
EPHA1	0.0109177	0.0297719	1.44728	1
METTL21D	3.74554	4.83678	0.368874	0.486707
FAM109B	2.73795	4.39518	0.682826	0.0698587
LINC00634	0.298292	0.203209	-0.553759	1
DIAPH2	4.16492	2.25981	-0.882088	0.00243047
FAM134A	25.6756	24.2861	-0.0802701	0.952905
MATK	1.10956	0.449424	-1.30384	0.0459324
MAPKAPK5-AS1	8.64466	8.76106	0.0192959	0.996079
TRAPPC8	1.697	1.52222	-0.156809	0.876899
IVNS1ABP	14.4232	19.4923	0.434506	0.133194
TMEM159	43.4914	29.776	-0.54658	0.0410573
ARHGEF17	2.85618	1.7243	-0.728074	0.0227017
DDX41	39.2416	54.791	0.481557	0.0736473
OSM	0.0114471	0.0199386	0.800583	1
KDM4A-AS1	0.440816	0.870333	0.981391	0.891353
HACE1	0.794528	0.650696	-0.288113	0.736907
RPL5	2043.33	2204.76	0.109697	0.929478
KDM6B	4.96852	8.5275	0.779306	0.00243047
FAM84A	0.0046264	0	#NAME?	1
BRSK2	9.28893	14.314	0.623848	0.0231741
ZBTB41	0.373134	0.2894	-0.366632	0.585568
PCYOX1	5.69616	5.88561	0.0472043	0.979701
TRPT1	58.5077	26.093	-1.16496	0.00134142

PI4KAP1	10.9902	12.0708	0.135312	0.898291
UBE2R2	13.3109	12.7444	-0.0627419	0.966946
C8orf44,C8orf44-SGK3,SGK	1.90936	2.06171	0.110748	0.952905
ZNF696	5.42298	9.50046	0.808912	0.00134142
EPB41L5	1.51099	1.36711	-0.144363	0.90608
ZMYND10	0.559535	1.60692	1.522	0.00425224
NROB2	0.0342661	0.0232023	-0.562517	1
BPTF	1.28003	1.2799	-0.000150261	0.999929
OR6W1P	0.0119326	0.00801372	-0.574359	1
AZI1	8.45248	7.69179	-0.136055	0.900578
ULK2	1.44471	0.892486	-0.694876	0.0983149
TES	0.0147992	0.00693705	-1.09312	1
UEVLD	0.872403	0.896809	0.0398056	0.990857
KIF15	2.17194	1.63388	-0.410677	0.314484
ALKBH7	64.8538	61.4468	-0.0778527	0.956657
PGM5	0.00877751	0.00557951	-0.653672	1
YPEL1	2.80591	2.27487	-0.302685	0.832803
IDH1-AS1	1.15936	0.568669	-1.02767	0.46195
ZFP30	0.975979	1.00729	0.0455616	0.986822
BAMBI	5.01694	5.95118	0.246368	0.739919
FGF18	0.32188	0.469206	0.543697	0.695538
AVP11	15.7693	21.2974	0.43356	0.234793
VSIG10L	0.948532	1.03938	0.131951	0.950929
OR7E156P	0.00779031	0.00532654	-0.548482	1
UPK2	0.0503686	0	#NAME?	1
ZCCHC2	1.25918	1.91877	0.607702	0.0757506
SCARNA6	0.159776	0.30393	0.927687	1
PGM1	39.0142	25.0854	-0.63715	0.0120701
PCDHB5	0.0131998	0.0132254	0.00279582	1
OSBPL7	2.62847	2.61678	-0.00642915	0.99714
ECH1	113.892	102.376	-0.153784	0.830476
NKAIN1	1.64775	2.24837	0.448384	0.43457
ALKBH5	47.0536	59.0537	0.327725	0.355184
PILRA	0.482245	0.151235	-1.67298	0.0976197
FAM131C	21.927	15.8483	-0.468377	0.161633
APOL	2.02838	1.76415	-0.201354	0.790283
SDHAP1	0.872371	1.32388	0.601761	0.290201
FLJ10038	0.76205	0.813586	0.0944098	0.987858
ZNF395	12.108	6.22285	-0.960318	0.00134142
MIR600HG	0.808092	1.35763	0.748502	0.0377654
CCDC85B	248.033	243.637	-0.0257965	0.989365
MGEA5	18.1593	9.677	-0.908076	0.00134142
ARSA	7.21004	6.53175	-0.142538	0.884463
CISH	1.93142	4.18242	1.11468	0.00337323
SEPT3	7.74871	5.75623	-0.428831	0.255652
FRG1B	6.99759	3.33765	-1.06802	0.00243047
ZNF501	0.571481	0.458101	-0.319039	0.765318
ZNF845	1.08712	0.924806	-0.233284	0.797744
MAP4K1	0.101944	0.100332	-0.022992	1
IZUMO1	0.0114941	0.036504	1.66716	1
CPSF1	26.4407	33.8754	0.357478	0.363804
RNF31	8.68767	11.3956	0.391433	0.274547
RRP8	11.3739	16.4103	0.528876	0.0778493
SCAI	0.94256	0.766997	-0.297364	0.563967
ZNF100	1.33247	1.23033	-0.115062	0.942519
SAMD1	43.9642	52.9518	0.268351	0.585735
ABCC9	0.405122	0.484027	0.256731	0.773167
NUDT18	10.2634	4.83998	-1.08444	0.00134142
TBC1D12	1.39815	1.04037	-0.426417	0.34496
LACTB	5.90207	4.85755	-0.280991	0.619363
KIAA2018	0.494901	0.449869	-0.137636	0.919921
COL2A1	0.00733466	0.011263	0.618795	1
DHRS4-AS1	1.97487	1.26824	-0.638932	0.508949
ANKRD37	8.69574	9.22145	0.0846857	0.989344
LRRC66	0.0565306	0.0390344	-0.534285	1
ZNF131	2.93662	2.82714	-0.0548153	0.979701
MORN1	0.719408	0.424727	-0.760274	0.592747
SPIN3	1.60518	2.00813	0.32312	0.728031
LOC100130899	4.92495	6.10641	0.310215	0.481679
ZNF85	1.11218	0.46109	-1.27028	0.00743393
VPS11	10.6635	7.76655	-0.457331	0.147583
CYP2R1	9.57148	9.61937	0.00720049	0.997036
VAT1	157.972	131.349	-0.266266	0.530352
CXorf40A	6.42094	8.66065	0.43169	0.281011
CCDC136	5.14086	5.70768	0.150896	0.919892
ZFP2	0.275313	0.288902	0.0695086	1
MARK4	10.4035	7.50034	-0.472034	0.111788
RPS26	1920.19	2131.43	0.150575	0.854644
FNIP1	4.93074	2.43306	-1.01903	0.00134142

CALD1	23.7432	29.3486	0.305775	0.468467
S100A13	405.679	566.29	0.481202	0.274686
HLA-F	60.3193	55.1432	-0.129437	0.88826
ZFC3H1	1.35751	2.92944	1.10966	0.00134142
EXOC4	15.1479	9.20005	-0.719403	0.00243047
ZNF503-AS2	1.78005	2.80984	0.658567	0.773127
DIDO1	5.52949	5.92095	0.0986841	0.945006
LOXL1	4.93238	5.18295	0.0714896	0.979701
PRDM8	19.7109	40.4597	1.03749	0.00134142
ZNF181	1.66694	1.32278	-0.333629	0.597945
NUMBL	9.68315	14.3222	0.564709	0.0531423
IAH1	34.8815	28.4399	-0.294545	0.510094
PCDHB16	0.94891	0.763849	-0.312984	0.693737
CCDC9	6.54567	7.75338	0.244284	0.730089
PLEKHG4B	0.00431686	0.000904879	-2.25419	1
ATM	1.21816	0.862027	-0.498903	0.128341
BHMT2	0.00586254	0.00348639	-0.749792	1
SH3GL1P1	0.322783	0.506771	0.650768	0.848508
DCDC2	0.49523	0.215294	-1.20179	0.0145499
HLA-A	1043.56	1136.65	0.12328	0.908114
ZNF711	0.94846	0.653388	-0.537648	0.241608
HECTD2	0.713096	0.626317	-0.187205	0.913628
SUCLG2	21.7176	16.4885	-0.397401	0.196619
CARHSP1	25.2722	17.999	-0.489636	0.0844105
ZNF766	3.75465	1.97881	-0.924045	0.00134142
ISL1	0.168749	0.1962	0.217446	1
BLVRB	159.445	135.536	-0.23438	0.619929
ZNF865	7.07642	8.33056	0.235395	0.691839
TIMP2	7.33736	5.25732	-0.480934	0.131385
WNT7B	0.0059413	0.0208556	1.81158	1
ZNF44	1.69934	1.52764	-0.153676	0.916838
CCDC78	3.4956	1.92972	-0.857151	0.640746
SNX30	2.48052	2.01428	-0.300379	0.504757
SLC27A3	6.03093	5.55055	-0.11975	0.935917
LSS	14.0337	23.8697	0.76628	0.00243047
MXRA7	44.6536	50.552	0.178993	0.778305
ZNF350	2.13146	2.11687	-0.00991212	0.997036
PMEP1	0.758291	0.605008	-0.325797	0.717152
LOC729444	0.0131788	0.0126507	-0.0590027	1
IQCH	0.729104	0.404198	-0.851062	0.92969
ASTE1	1.77323	2.03758	0.200473	0.979484
MLXIPL	5.2594	2.25517	-1.22166	0.00134142
KLHL15	1.35516	1.17322	-0.207992	0.798573
TMEM219	96.0513	82.1743	-0.225118	0.649163
OXCT2	1.5727	2.66972	0.763449	0.942519
RGS9	0.0850098	0.0158773	-2.42066	1
KIAA1551	0.674703	0.750249	0.153118	0.909016
EEF1D	1144.31	1376.94	0.266989	0.581978
FAM102A	10.5993	13.8986	0.390971	0.258126
C5orf38	5.8787	4.0525	-0.536686	0.448465
TSC22D1	13.85	11.2706	-0.297322	0.471178
MAP1B	0.007187	0.0155939	1.11752	1
TFPT	9.70161	13.4986	0.476513	0.855134
MPND	20.2813	23.8252	0.232341	0.700037
FAM110A	9.0959	8.44367	-0.107346	0.950929
C11orf83	15.3817	20.291	0.399622	0.753148
ZNF266	8.2769	7.74279	-0.0962379	0.935939
GPR182	0.0272669	0.0294426	0.110754	1
HPS6	16.2687	28.3382	0.800651	0.00134142
STAP2	16.0403	12.5375	-0.355455	0.41212
KCNJ14	0.636335	1.11052	0.803381	0.10214
RPGRIP1	0.00622069	0.0157988	1.34467	1
ENDOG	31.0467	50.5406	0.703003	0.648914
THEMIS2	0.0203004	0.0262322	0.369834	1
ZNF829	0.00657725	0.0141094	1.1011	1
C10orf68,CCDC7	0.531633	0.227309	-1.22578	0.0373672
KIAA0907	6.83866	10.655	0.639751	0.0250278
LOC100506844	13.8007	7.98569	-0.789256	0.0336095
BRPF3	3.75224	3.59558	-0.0615253	0.974044
EGFR	1.10769	0.424382	-1.38412	0.00134142
ACTR3B	9.75961	14.5698	0.578085	0.0451064
TSACC	0.483469	0.509422	0.0754381	0.997036
ADAMTS14	0.00365079	0.00267456	-0.448909	1
ZNF827	0.212336	0.123528	-0.78151	1
ATG16L1	4.71907	7.96895	0.755888	0.00672555
ABHD14B	36.0836	24.2066	-0.575943	0.0451064
TCEB3	1.57349	2.51381	0.675908	0.0547855
LINC00622	0.153706	0.0511517	-1.58732	1
CYP21A2	0.112795	0.0334414	-1.754	1

ADM2	0.00481824	0.00309467	-0.63872	1
CCNT2	2.42926	2.11618	-0.199055	0.771183
MESP1	32.6762	44.2022	0.435879	0.25986
ANKRD31	0.0343652	0.0182331	-0.91439	1
LSMD1	47.9535	71.0873	0.567957	0.262818
PITPNM1	12.4985	20.1203	0.6869	0.009453
JMJD7,JMJD7-PLA2G4B,PL	17.0655	14.7091	-0.21437	0.778146
LOC100130744	0.52381	0.512669	-0.0310139	0.997323
AN06	9.89476	6.94122	-0.511475	0.074638
ANKRD23	1.46858	2.12441	0.532635	0.327288
C9orf129	1.86887	2.93636	0.651863	0.845125
NBPF10	0.181414	0.166312	-0.1254	1
HMG20B	96.5042	93.5507	-0.0448433	0.979701
SH3YL1	5.97563	4.12715	-0.533945	0.152605
LOC152217	23.4173	32.2532	0.461866	0.131622
IGFBP6	172.712	201.854	0.224943	0.674625
USP27X	1.10792	1.202	0.117577	0.954559
SHC1	139.127	149.485	0.103594	0.924336
MNF1	30.6745	37.0736	0.273353	0.52114
CD82	2.40794	2.28744	-0.0740645	0.979701
C21orf58	1.55933	1.67482	0.10308	0.965607
HIC2	1.3904	1.66084	0.256411	0.726892
GJD3	2.86689	3.40189	0.246849	0.738678
SGOL1-AS1	1.1285	1.05725	-0.094091	0.99351
FAHD2B	15.7642	10.9517	-0.525498	0.115606
PDE4C	0.0942841	0.0626841	-0.588916	1
TOM1	15.545	10.8295	-0.521478	0.092295
RPS23	410.228	421.711	0.039827	0.984917
SNCAIP	0.213853	0.0439534	-2.28257	1
CTRC	0.0235421	0.0408347	0.794555	1
BRI3	284.507	164.913	-0.786761	0.0167292
ASAH2B	0.107823	0.0187056	-2.52712	1
CCNG2	6.07159	1.63334	-1.89425	0.00134142
TRAF3IP2-AS1	3.25036	3.10052	-0.0680904	0.993379
ZNF211	1.24093	1.20504	-0.0423411	0.989343
KTN1-AS1	1.43132	0.722293	-0.98669	0.0637115
RPS15	4341.63	5309.23	0.290266	0.511387
ZNF354B	1.36206	1.2845	-0.0845875	0.972989
TBC1D8B	0.497814	0.224986	-1.14577	0.030994
MAP6D1	6.91022	14.2439	1.04354	0.00134142
PEAR1	1.29795	0.734465	-0.821468	0.0459324
SNTA1	14.4745	11.8514	-0.288452	0.553489
FLJ46361	0.00369262	0.00296401	-0.317096	1
TMEM132A	28.9986	45.9437	0.663883	0.0101293
ZSCAN16	4.68238	3.77841	-0.309462	0.638558
PAN3	3.33685	3.51098	0.0733858	0.965252
C1orf56	3.54132	2.58882	-0.451994	0.947247
SNORA25	2.0921	4.55099	1.12123	0.907651
HMGCL	32.8781	13.2707	-1.30888	0.00134142
FEZ2	104.967	83.5738	-0.328811	0.344417
LOC284801	0.0362412	0.0552467	0.608256	1
KIF20A	6.20544	7.29577	0.233526	0.872117
MSANTD2	1.5052	2.75375	0.871444	0.0250278
ZKSCAN2	1.11597	0.945731	-0.238801	0.74929
CCDC144C	0.00483507	0.00729946	0.594252	1
SIRT3	10.4596	6.13471	-0.769762	0.624393
LOC100144604	0.0304237	0.0163348	-0.897248	1
NBPF3	4.8803	5.14633	0.0765748	0.961224
CPLX3	0.0687126	0.118365	0.784594	1
FAM220A	6.06839	3.87132	-0.648489	0.0474163
AMZ2P1	1.66426	0.88041	-0.918631	0.0139368
RGS9BP	0.1748	0.157387	-0.15139	1
GPR83	0.156215	0.163602	0.0666598	1
LOC100289187	1.48705	1.47962	-0.00722199	0.997342
TNFAIP8	2.65947	1.93497	-0.458826	0.344255
NAB2	33.1528	36.3907	0.134439	0.962922
METTL23	20.6806	12.503	-0.725998	0.0250278
ZNF417	0.306047	0.333555	0.124169	1
UROS	20.3533	27.6318	0.441064	0.170566
ZNF630	0.474129	0.229583	-1.04627	0.0694871
ZNF318	2.05327	1.84935	-0.150906	0.871957
BBC3	48.2229	16.519	-1.54559	0.00134142
RPS20	3375.87	3580.64	0.0849565	0.95542
ALOX5	0.029653	0.0164615	-0.84908	1
UNK	7.78443	6.11867	-0.347373	0.465288
TRMT5	3.88876	4.61275	0.246315	0.623055
RNF208	47.291	49.0864	0.0537574	0.977332
LINC00667	2.9106	3.15719	0.117324	0.925955
SH3BP5-AS1	0.686034	0.564639	-0.280951	0.928474

HEBP1	59.8508	45.3692	-0.399657	0.19894
C15orf61	11.0859	10.4687	-0.0826446	0.986822
GUCD1	20.1039	26.0125	0.37173	0.254928
ULBP3	2.31179	3.46704	0.584695	0.380775
C16orf91	26.0279	54.2478	1.05951	0.00134142
RPL8	10478.7	11971.4	0.192132	0.830817
KLHL24	2.20269	0.641955	-1.77872	0.00134142
ASAP3	4.31586	4.33346	0.00587048	0.99714
RPL22	306.838	316.299	0.0438117	0.98038
ACOT1	2.70204	1.86079	-0.538131	0.851762
NOP9	1.98687	4.48448	1.17444	0.00243047
EXD1	0.0132185	0.00907055	-0.543299	1
HLA-J	1.52511	0.945057	-0.690441	0.573076
KCNH3	0.60432	0.363917	-0.731702	0.329464
TPP1	33.5304	26.8572	-0.32016	0.374678
WWC3	0.0135808	0	#NAME?	1
RACGAP1P	0.00873045	0.00299457	-1.54371	1
TBC1D28	0.0331648	0.0338549	0.0297113	1
SP6	2.27026	2.37527	0.0652291	0.977413
ANKRD35	0.00522571	0.00448611	-0.220161	1
FLJ33360	0.0908706	0.0774949	-0.229713	1
HELZ2	2.56536	2.47607	-0.0511085	0.979875
EFNA2	3.97683	4.08757	0.039626	0.989089
FLJ20021	2.99362	2.46828	-0.278387	0.867828
SLC16A4	0.109639	0.0864564	-0.342711	1
FBXW5	128.833	163.793	0.34637	0.315059
ZNF236	0.637522	0.618871	-0.0428363	0.987627
ZNF224	0.0383631	0.0412644	0.105179	1
SPG11	3.10523	1.6368	-0.92382	0.241177
ARID4B	1.13636	1.35301	0.251754	0.702182
HEXA-AS1	0.0651346	0.0205285	-1.66579	1
CGRRF1	6.50039	4.87191	-0.416039	0.358044
RNF34	8.03374	11.401	0.505017	0.15127
SDC4	52.0563	44.1792	-0.236707	0.618232
JDP2	6.64989	2.31971	-1.51939	0.00134142
JRK	6.73806	13.7746	1.0316	0.00134142
LOC400027	5.49784	4.86411	-0.17669	0.848508
ALCAM	5.79201	6.70564	0.211309	0.71167
SPG7	18.0447	24.0359	0.413619	0.193192
ANXA6	44.5422	35.5724	-0.324413	0.348909
BAIAP2-AS1	2.53205	2.81456	0.152603	0.893663
RAPGEFL1	2.36848	2.65944	0.167164	0.880739
PRCP	33.7085	25.476	-0.403974	0.192879
KCTD12	1.45302	2.09764	0.529714	0.127726
RGL2	22.4253	15.659	-0.518133	0.0655915
LOC100288637	0.954915	0.996292	0.0611961	0.979701
RSBN1L-AS1	4.3069	6.538	0.602198	0.498268
RNF166	14.5735	11.9086	-0.291342	0.589722
ZNF836	1.48231	0.474413	-1.64364	0.00134142
SUV420H1	4.81142	3.69867	-0.379454	0.362623
ADAM20P1	0.060927	0.057628	-0.080311	1
LGALS1	1947.57	2098.45	0.107651	0.920028
BHLHA15	1.96413	3.15716	0.684737	0.476073
BCKDHB	7.34253	6.08524	-0.270962	0.678791
ADC	3.15642	2.36133	-0.418689	0.474762
ABHD10	11.6144	8.13752	-0.513256	0.0838642
ZNF749	0.618907	0.858239	0.471656	0.465784
ZNF197	2.51326	1.93247	-0.379119	0.425127
ZSCAN25	2.81081	3.13684	0.158326	0.875606
BHLHE41	2.5195	2.31528	-0.121949	0.932231
LINC00612	0.022579	0.00922888	-1.29076	1
MGARP	0.243622	0.303988	0.319367	1
ZNF275	2.7946	2.94162	0.0739734	0.965515
DYNC2H1	0.792714	0.414375	-0.935863	0.00243047
DZIP1L	1.777	2.33389	0.393293	0.447323
FAM19A2	0.00722209	0.00240816	-1.58448	1
TACR2	0.0142761	0.0212803	0.575924	1
TUBB6	4.65802	3.41579	-0.447499	0.387388
BOLA3-AS1	3.65084	3.83071	0.0693811	0.990324
PRRC2B	17.6349	18.0197	0.0311395	0.987627
DLX4	0.688568	0.142282	-2.27484	0.0126858
OPN3	0.14039	0.13834	-0.0212267	1
EXOC8	1.94648	2.17803	0.162157	0.871926
LAT	1.05877	1.87592	0.82521	0.144603
TMCO6	8.06025	8.76904	0.121594	0.979701
RPS27L	68.7002	96.7319	0.493677	0.0790043
TPR	4.01217	4.49446	0.163764	0.907651
RPL11	3907.13	4272.38	0.128934	0.902188
LNP1	1.50429	1.30185	-0.208514	0.990315

ZNF438	1.10556	0.399419	-1.4688	0.00134142
TMEM50B	7.34662	9.67952	0.397855	0.756556
BTNL9	2.51289	2.35752	-0.0920781	0.959465
PPAPDC2	3.94681	4.15747	0.0750181	0.967901
ADAMTS16	0.00333514	0	#NAME?	1
CRIM1	8.3445	7.3504	-0.183002	0.7741
MBD6	11.4167	8.93986	-0.352822	0.845726
UAP1L1	34.3416	27.5776	-0.316462	0.388744
WFIKKN1	0.179104	0.182716	0.0288007	1
TBX3	1.60076	2.546	0.669476	0.0592084
C6orf226	10.8287	12.2369	0.176376	0.920028
FBXO42	7.07021	6.34316	-0.156549	0.857478
FBXW4	18.3577	12.6444	-0.537892	0.0671701
POU5F1	0.0986768	0.0726979	-0.440796	1
RAB11FIP4	3.68533	2.51064	-0.553738	0.117699
ATP5S	4.86398	4.58093	-0.0864978	0.966946
TECTA	0.063453	0.0435763	-0.542146	1
GM2A	10.6616	6.99029	-0.609002	0.030994
AHCYL2	2.11304	1.97681	-0.0961521	0.952202
HBE1	134.755	174.591	0.373639	0.26122
TARBP1	3.8139	3.0534	-0.320851	0.474273
PLD3	45.616	33.0901	-0.463137	0.220496
PEX2	7.30583	4.79825	-0.606539	0.0227017
AMY2B,RNPC3	2.81219	1.73896	-0.693469	0.0780546
LAGE3	16.8464	21.5959	0.358319	0.328659
ZMYND15	1.42711	1.2997	-0.13492	0.950929
FGFR1OP2	6.72444	6.64779	-0.0165395	0.996014
SCN2B	0.00622466	0.0064324	0.0473605	1
MED13	2.36637	2.06568	-0.196062	0.762454
COA3	50.5254	80.9302	0.679669	0.00425224
AGAP6	3.51698	5.14492	0.548809	0.119625
GUSBP9,SMA5	0.587794	0.574952	-0.0318692	0.995302
LOC642236	0.229535	0.0638684	-1.84554	1
RHOV	5.26568	9.43496	0.841396	0.0139368
TAF1D	30.4062	21.3255	-0.511785	0.0678232
PDE5A	0.361613	0.21141	-0.774405	0.273394
GIT2	6.32368	5.17362	-0.289589	0.573731
CADPS2	0.775579	0.78156	0.0110844	0.997036
SLCO4A1	26.5536	40.5937	0.612347	0.0240561
SPICE1	0.982792	0.652685	-0.5905	0.159417
SNHG7,SNORA17,SNORA4	386.828	358.912	-0.108061	0.927627
PLAC8L1	2.36937	4.09379	0.788932	0.123542
FLJ22184	11.5863	5.67738	-1.02913	0.00134142
CLHC1	0.245181	0.193421	-0.342103	1
RASSF4	3.67027	2.25653	-0.70178	0.0587985
RBM5	21.2106	16.8125	-0.335252	0.342445
CDK10	32.4017	38.3697	0.243897	0.754842
MFSD3	45.1008	46.8869	0.0560297	0.976326
MIF	3298.36	4080.21	0.306896	0.436762
FAM63A	5.03486	1.83023	-1.45992	0.00134142
ZDBF2	0.451543	0.383194	-0.236789	0.792482
SEPT1	0.911584	0.564639	-0.691046	0.956382
TP53INP2	6.36212	4.90865	-0.374182	0.326591
VPS39	7.40003	5.33801	-0.471228	0.111587
RPL41	12104.9	12960	0.0984672	0.950423
ZNF169	0.640074	0.66978	0.0654467	0.982497
GRTP1	9.93209	6.29865	-0.657054	0.0645318
C19orf55	1.27368	1.08383	-0.232862	0.88211
AMDHD1	0.343016	0.0999446	-1.77908	1
ST3GAL3	2.90953	1.54021	-0.917659	0.0178668
FZD8	1.9753	2.38789	0.273664	0.771183
TNRC6A	1.24179	1.49025	0.263132	0.650127
FAM122A	2.64641	2.63726	-0.00499719	0.997535
TSGA10	0.096082	0.0807667	-0.250505	1
ANKRD33B	1.18268	1.23496	0.062406	0.977358
DIO1	0.0160708	0.0159832	-0.00788422	1
GPM6A	0.00465691	0.011372	1.28804	1
ATP6V0A2	0.877108	1.31392	0.583049	0.118183
AMPD2	32.0961	41.2478	0.36192	0.27885
RBM12B	2.40149	3.36492	0.486642	0.136959
OTUD3	1.5032	1.32749	-0.179337	0.847596
NRSN2	0.292006	0.0622206	-2.23054	1
TMEM14E	0.0352027	0.0175507	-1.00416	1
LOC100128338	8.94583	7.65949	-0.223967	0.716614
CDC42EP2	18.5197	43.7469	1.24012	0.00134142
LOC541471	347.716	350.117	0.00993055	0.996079
FLJ38576	0.0638113	0.104794	0.715668	1
SCARNA5	0.994107	1.19824	0.269447	0.990857
R3HCC1	43.7796	37.4086	-0.226891	0.656747

ANKRD10	8.84635	11.1376	0.332291	0.422156
FBXL4	3.06157	1.78823	-0.775739	0.0183825
FBNP4	7.7415	9.55215	0.303213	0.44093
INO80D	0.488519	0.441089	-0.147346	0.907949
ACAD11,NPHP3	7.31088	4.36155	-0.745205	0.211699
AKR7A2	33.8969	28.6478	-0.242728	0.606735
FLJ25758	0.0565664	0.00817286	-2.79103	1
ERVK13-1	0.807534	1.46208	0.856426	0.00882987
MDM2	11.6119	11.8727	0.0320454	0.986822
TJP2	3.75293	2.0506	-0.871972	0.00243047
LOC115110	1.05479	0.266714	-1.98359	0.00672555
LOC100507250	0.241066	0.0537445	-2.16524	1
ENC1	11.0749	12.2791	0.148902	0.850795
STK16	10.1591	7.95585	-0.352687	0.903126
ZNF354A	5.44689	4.61277	-0.239799	0.689101
LOC284385	1.95654	1.21865	-0.683018	0.150383
ZNF776	1.22101	0.888435	-0.458741	0.293045
MT1F	81.8874	66.5739	-0.298686	0.559634
SNORA33	7.86571	9.23438	0.231438	0.991767
HLA-DMB	0.011401	0.00766793	-0.572254	1
PHLDB3	8.80063	8.26291	-0.0909568	0.956807
LGALS9	0.156037	0.204176	0.387928	1
MTERFD3	3.41562	4.30132	0.332631	0.542506
RAB20	21.3708	18.2166	-0.230384	0.714085
KCTD2	6.69158	10.6338	0.668242	0.0120701
TBL1XR1	14.4589	12.4562	-0.215085	0.676575
KCNC4	3.3103	5.32919	0.686955	0.0414844
RNF223	0.266511	0.139553	-0.933379	1
HOXB2	19.2654	29.9341	0.635779	0.0314167
GMPR2	34.3075	29.5412	-0.215793	0.681208
THBS4	0.21883	0.0677307	-1.69193	1
CACNB4	0.451086	0.306617	-0.556964	0.256338
UTS2D	0.0228808	0.0038145	-2.58457	1
FGFR2	0.72589	0.652807	-0.153094	0.931161
TTPAL	3.22984	4.13064	0.354905	0.342317
SYNGR3	8.00237	4.56576	-0.809572	0.021138
C16orf54	0.00715589	0	#NAME?	1
BBS5	0.557816	0.923097	0.726693	0.199892
MAGEB2	0.0466709	0.0424389	-0.137136	1
RNASET2	50.6062	39.4675	-0.35865	0.29889
RAP1GAP	3.43753	2.99537	-0.19864	0.831185
ZNF37BP	1.52889	2.76857	0.856657	0.00134142
ASAP2	2.72054	1.50163	-0.857369	0.00425224
HS1BP3	18.5274	8.27482	-1.16286	0.00134142
ZIC2	4.91294	5.53375	0.17167	0.869885
NXN	9.00974	4.11402	-1.13094	0.00134142
LZTS2	48.8824	51.376	0.0717791	0.959465
TBCEL	1.27944	0.9393	-0.44585	0.360993
COX8C	0.1016	0.0678833	-0.581766	1
ETAA1	2.32986	2.22089	-0.0691085	0.972989
CEP95	6.09827	4.69973	-0.375823	0.32997
NT5M	7.82266	6.09307	-0.360489	0.534568
PMS2P5	2.63362	1.9947	-0.400875	0.624818
CCNJ	3.13579	5.2948	0.755748	0.0803445
ZNF180	2.16313	2.33729	0.111715	0.938811
C6orf48	289.517	225.608	-0.359826	0.289756
NEK2	9.48079	6.67109	-0.507084	0.115606
PRKCDBP	20.7125	12.3882	-0.741531	0.0419471
PDP1	5.52695	2.70875	-1.02885	0.00134142
STAM2	1.58299	1.12687	-0.490337	0.193761
LOC100294145	2.22058	2.289	0.0437858	0.984917
ORAI3	14.4744	4.45251	-1.70081	0.00134142
PDK3	5.52473	3.19559	-0.789822	0.13237
FAM129B	93.6866	149.133	0.670684	0.00882987
PHKG2	7.21077	10.7288	0.573257	0.666069
UHMK1	8.90017	8.05448	-0.144041	0.851389
SNORA78	3.66668	2.53023	-0.535205	1
NAAA	8.81112	8.68528	-0.0207526	0.993379
SLC24A1	0.93656	0.449653	-1.05856	0.0183825
CCNL2	25.5169	35.6997	0.484459	0.100126
ZSCAN31	0.978389	0.490324	-0.996673	0.0288382
LOC100132352	4.61456	3.78338	-0.28652	0.709367
ARSD	4.08758	2.00559	-1.02722	0.00134142
SKIL	0.996183	0.605439	-0.718431	0.0467709
FAM172A	1.94007	1.05154	-0.8836	0.192415
CACNG7	0.613324	0.14943	-2.03718	0.0394523
ZNF761	2.57052	3.9738	0.628457	0.0467709
MSL2	4.19103	3.82919	-0.130267	0.902188
REST	3.36689	3.26624	-0.0437844	0.979875

PNRC1	25.107	16.3791	-0.616234	0.0235476
N4BP2L2	12.3503	12.4703	0.0139451	0.995528
RILP	18.681	14.9136	-0.324943	0.48841
UCA1	6.49974	4.44943	-0.546761	0.119771
IQSEC1	5.50692	8.13283	0.562511	0.0489893
MSL1	5.75595	8.08243	0.489734	0.109152
FKTN	3.32729	4.08047	0.294389	0.653974
PODXL	19.8466	16.4748	-0.268625	0.536951
PYGL	40.3928	32.1437	-0.329563	0.346372
LOC100131096	0.891265	0.791822	-0.170679	0.969963
SNX21	9.15886	7.96583	-0.201344	0.833863
HOXB9	20.7023	17.061	-0.279091	0.507105
RAPGEF6	0.954807	1.05106	0.138567	0.911779
LOC158435	0.00621425	0.00985783	0.665689	1
MASP2	0.195942	0.129826	-0.593855	1
SLC5A10	0.498936	0.381645	-0.386623	0.957206
PLIN2	34.8175	21.122	-0.721068	0.00134142
MKLN1	4.68002	3.60773	-0.375424	0.245934
PCYT2	12.1177	12.0012	-0.0139365	0.994615
MAPT	0.00937651	0.0191717	1.03185	1
DNAL1	0.483301	0.735133	0.605085	0.123604
PARD6B	1.76672	1.34415	-0.394376	0.408463
ZNF678	0.41375	0.369527	-0.163082	0.909179
FKBP10	108.535	96.8863	-0.163793	0.81342
BCL7A	7.24532	7.21616	-0.005819	0.99714
ATP2B3	0.00282173	0	#NAME?	1
TSPAN31	6.61154	3.83577	-0.78547	0.8586
EIF3E	637.002	591.92	-0.105894	0.927627
ZFAT-AS1	0.0932804	0.0305668	-1.60961	1
SPATA24	1.6266	1.21029	-0.426512	0.724424
SMAD3	4.33704	5.0805	0.22826	0.674625
TMEM230	54.8275	50.3437	-0.123088	0.887208
LOC100289495	0.225496	0.0784061	-1.52406	1
MYOZ1	0.0107557	0.00728499	-0.562096	1
NKAP	16.0841	11.3975	-0.496925	0.123604
NEIL1	8.12418	7.30234	-0.153864	0.903682
LHPP	9.54249	8.46696	-0.172522	0.864691
LINC00163	0.0108263	0.0649348	2.58445	1
STX2	3.68754	5.1648	0.486053	0.154481
ACOX3	4.60513	4.90836	0.0919981	0.956807
PHF23	15.4014	40.721	1.40271	0.00134142
C11orf1	17.0671	12.186	-0.485986	0.277325
GRIP1	0.303415	0.382626	0.334643	0.72731
RALGAPA2	1.06208	0.900016	-0.238876	0.737796
FAM219B	7.89341	9.25273	0.22923	0.684576
LGALS1	5.23489	5.8065	0.14951	0.862445
NGLY1	15.7108	11.1612	-0.493263	0.0909525
RPL14	2751.16	2986.97	0.118643	0.918153
ANKRD49	5.04752	4.17081	-0.275247	0.645533
TCIRG1	33.8867	29.0513	-0.222116	0.689101
OSBPL8	3.13265	3.4799	0.151662	0.852163
CEP89	2.08282	1.91415	-0.121835	0.938194
SNHG5	1157.08	1183.41	0.0324556	0.986822
LOC100133331	0.658678	0.583918	-0.173807	0.934181
FZD4	0.751366	1.14192	0.603871	0.10637
TNFAIP8L1	5.72291	5.58605	-0.0349186	0.987627
MSH4	0.493963	0.278102	-0.828791	0.128584
HEATR6	3.00081	2.75786	-0.121802	0.926446
RARRES3	0.0479795	0	#NAME?	1
CNTNAP1	6.55652	4.66468	-0.491153	0.112365
PKIG	22.9198	15.6601	-0.549498	0.0924793
RCOR2	11.9265	7.6785	-0.635271	0.0394523
ABHD16B	10.9225	35.2848	1.69174	0.00134142
ZMYM6NB	31.1049	17.2573	-0.849934	0.00243047
ABCB6	9.50441	11.8712	0.320799	0.457989
SH3BGRL	16.0638	13.6732	-0.232459	0.724741
CMC4,MTCP1	12.7552	10.4183	-0.291964	0.666392
TANC2	1.56863	1.01907	-0.622248	0.0470437
CTAGE15P	0.14932	0.106766	-0.483956	1
BCL2L13	4.41487	2.70033	-0.709236	0.009453
LINC00336	0.0154073	0.00552037	-1.48078	1
ONECUT2	0.319633	0.358219	0.164426	0.893663
FGFR3	4.05061	6.53115	0.689198	0.0222212
ZNF177,ZNF559,ZNF559-Z1	2.44158	2.12198	-0.202403	0.830321
RFTN2	0.0283279	0.0468847	0.726893	1
GDI1	44.4713	49.2188	0.146337	0.84262
FBXO27	0.094874	0.0321444	-1.56145	1
RPS7	3952.03	4324.87	0.130061	0.904734
ATG16L2	16.0385	12.4117	-0.369836	0.330372

GBAS	22.8302	18.4339	-0.308584	0.41836
NDRG3	5.57029	5.33969	-0.0609949	0.9755
ZDHH8	9.76165	16.1252	0.724122	0.00337323
TMEM151A	0.0251843	0	#NAME?	1
STK17A	5.55135	9.42884	0.764242	0.00134142
MEIS3	58.0366	44.6616	-0.377929	0.240573
PLXNB2	21.181	20.4424	-0.0512031	0.977103
SOCS5	1.41466	1.54394	0.126159	0.931471
H1FX-AS1	0.475999	0.412002	-0.208307	0.992797
SAMD4A	2.59399	2.36742	-0.131855	0.907689
CLCN6	2.37704	2.43475	0.0346079	0.992797
NARF	74.4959	55.4493	-0.425993	0.156839
RNF146	5.93152	3.54613	-0.742158	0.0156972
ZFP62	2.00285	1.70043	-0.236159	0.731049
DOCK6	10.3885	7.59927	-0.451059	0.128873
FEZF1-AS1	2.37052	1.189	-0.995458	0.0227017
MARCH2	12.6516	11.9314	-0.0845515	0.960314
SAYSD1	3.78048	5.17404	0.452723	0.289756
PPIAP30	0.0883245	0.0416542	-1.08435	1
CUBN	0.446689	0.273762	-0.706347	0.0792619
TESK2	2.17227	1.08703	-0.99881	0.488269
TRNP1	13.0443	15.7025	0.267579	0.605597
ERC2	22.3124	19.2187	-0.215335	0.833863
FAN1	2.93807	4.06595	0.468726	0.302091
RPL7	6137.91	6437.94	0.068851	0.973735
NR1H2	33.6034	38.7153	0.204295	0.725129
HOXA11	5.15751	10.4976	1.02531	0.00134142
CCDC175	0.362296	0.502239	0.471203	0.945052
PELL1	1.65004	1.20467	-0.453858	0.341373
STX1A	16.5999	18.4993	0.156297	0.852163
FAM217B	1.80387	1.91743	0.0880734	0.967901
C20orf118	0.0318592	0.0537831	0.755444	1
ZKSCAN3	0.748916	1.01569	0.439579	0.430709
LRR8E	13.857	15.5715	0.168302	0.809695
NUCB1	97.0018	86.764	-0.160914	0.821557
IRAK2	1.04725	1.13831	0.12028	0.95467
CD247	0.0107578	0	#NAME?	1
CDKN1C	11.0233	4.48881	-1.29616	0.00134142
DICER1	1.50003	1.99865	0.414039	0.2318
APOM	3.12529	2.44223	-0.355793	0.984967
SCAND2P	2.19491	3.00407	0.452759	0.255176
SEMA3F	4.77865	5.48547	0.199013	0.806993
VPS36	3.74166	3.92795	0.0700966	0.966946
PACS2	8.95392	9.00822	0.00872372	0.997342
MYL5	5.62499	7.43787	0.403038	0.563459
RPL23	4155.96	4796.12	0.206687	0.738368
TSPYL2	11.6978	10.2116	-0.196021	0.752981
DNAJB1	71.3101	172.497	1.27439	0.00134142
GDPD5	7.70044	8.92571	0.213026	0.739919
ZNF517	5.74117	3.88119	-0.564847	0.1718
ZNF3	16.3067	17.4024	0.0938262	0.950929
PNISR	5.68361	5.5918	-0.0234961	0.991767
POLL	20.324	11.142	-0.867179	0.00134142
LOC283177	0.0205289	0.0104986	-0.967452	1
KLHL9	6.3332	7.33746	0.212347	0.700075
ACTRT3	1.18696	1.39282	0.230738	0.85843
LOC728743	0.829242	0.521457	-0.669246	0.296574
LOC100507634	0.552854	0.60767	0.136391	0.965735
CAPRIN2	18.0381	20.3455	0.173662	0.799908
SAMD10	3.25497	4.84604	0.574163	0.181132
HES4	72.5911	190.9	1.39495	0.00134142
KLHL35	12.3379	9.92072	-0.314576	0.587886
ARHGEF33	0.0194364	0.020854	0.101564	1
FRAT1	3.6364	2.16089	-0.750886	0.0755921
LOC254100	0.682614	0.674121	-0.0180627	0.997036
CRYBG3	0.255179	0.233002	-0.131165	1
MAPK8IP3	8.0629	9.72579	0.270517	0.572896
SLC25A21	0.831942	0.99229	0.254279	0.833863
FLJ14186	1.67821	1.11713	-0.587131	0.20932
CXorf31	0.121148	0.020864	-2.53768	1
C5orf24	4.55579	5.04376	0.1468	0.860362
CTIF	9.62586	6.84928	-0.490963	0.0972878
ZNF578	1.36327	1.82575	0.421417	0.284421
CEP350	1.08106	0.819707	-0.399271	0.286255
ATP2B4	1.59445	1.50866	-0.0797915	0.961
BCKDHA	97.0877	69.5817	-0.480581	0.0780546
CDKN2B	2.69432	6.8959	1.35582	0.00134142
PKM	1202.82	1301.5	0.11375	0.926423
ZNF189	4.86365	4.91898	0.0163217	0.993916

DOM3Z	9.65863	11.5901	0.263001	0.7433
ALKBH4	10.7776	17.9123	0.732909	0.16323
CDCA3	25.2965	36.5896	0.532497	0.0743087
LRRRC37A6P	0.00405593	0	#NAME?	1
PPARA	0.998911	0.952891	-0.0680452	0.974631
BEGAIN	3.32281	5.62086	0.758387	0.0485415
FAU	1857.55	2388.71	0.362829	0.373076
ZNF48	10.3285	14.0478	0.443715	0.162786
C4orf52	28.4811	16.3743	-0.798577	0.00243047
SIRT5	3.94367	2.20865	-0.836373	0.0101293
ZNF449	0.53731	0.294576	-0.867115	0.0732879
RP9P	8.06702	12.4549	0.626604	0.0507992
SNORA26	17.164	12.6265	-0.442924	0.98468
GAB3	0.00823231	0.0017043	-2.27212	1
CHD2	5.90957	3.87562	-0.608627	0.0447795
CASD1	3.38239	4.03534	0.254648	0.650401
COX7A2L	103.188	83.1942	-0.310719	0.406031
PLEKHH1	1.78284	0.935671	-0.930105	0.20203
C2orf73	0.0058918	0	#NAME?	1
KLK6	0.0126391	0.00861736	-0.552577	1
SLC52A3	0.00796187	0.00652719	-0.286646	1
IL22RA1	0.61537	0.239258	-1.36288	0.0349222
LINC00485	0.00340401	0.00281661	-0.273278	1
USPL1	2.76132	3.76647	0.447855	0.195657
LOC100506710	6.13772	6.83436	0.155105	0.844123
RPLP2	6453.41	7489.19	0.214747	0.728031
DSTYK	1.60676	1.73097	0.107422	0.934345
RHOD	64.1659	67.923	0.0820924	0.953738
RAD9A	5.45577	8.16044	0.580865	0.926258
PQLC3	7.55011	4.95379	-0.607965	0.0755921
SIX4	1.69237	2.46696	0.543691	0.0925999
GEMIN8	6.37159	3.53848	-0.848526	0.00134142
UBE3B	5.9976	5.41027	-0.148683	0.913628
SERTAD4-AS1	4.19932	1.79919	-1.22281	0.0403066
CCN12	0.0158123	0.00649676	-1.28326	1
RUNX2	1.54868	1.30692	-0.244867	0.887112
LOC645249	13.5422	15.2624	0.172515	0.876892
UBA2	20.3541	16.1837	-0.330777	0.340063
NRP1	1.07725	0.927071	-0.216598	0.898772
ABTB1	16.3144	5.54371	-1.55722	0.00134142
SVIP	6.59306	7.1705	0.121125	0.926007
RBBP6	7.00547	6.1271	-0.193278	0.90907
IQSEC2	7.22819	5.40534	-0.419248	0.5154
LANCL1	4.31144	3.38057	-0.350901	0.394061
SERTAD3	14.9604	27.4177	0.873955	0.00134142
FAM90A1	0.492703	0.428689	-0.200786	0.935187
RRNAD1	12.3513	5.65735	-1.12646	0.00134142
FRS2	1.80761	1.72689	-0.0659059	0.972111
MIPOL1	0.270334	0.185939	-0.539916	1
FJX1	26.0813	46.3873	0.830714	0.00134142
METTL20	0.300017	0.15969	-0.909771	1
HKR1	6.33105	7.54531	0.253136	0.629966
REL	0.134479	0.136854	0.025249	1
C16orf13	150.273	164.135	0.127296	0.895818
NBPF15,NBPF16	5.57294	6.91089	0.310434	0.44885
TRIM68	0.94454	0.739019	-0.354	0.664058
MCM9	0.797355	1.02559	0.363164	0.855981
POLD4	23.5926	13.8295	-0.770583	0.0162707
GRIK1-AS2	0.105518	0.0874475	-0.270993	1
MFSD6	1.67526	1.82749	0.125481	0.925955
LOC149134	1.17577	1.28779	0.131298	0.966946
ZNF92	1.61552	1.42157	-0.184514	0.868469
MEST	12.0157	13.0182	0.115607	0.943861
CASZ1	1.81851	2.68001	0.559483	0.175815
HMOX1	45.9458	50.516	0.136808	0.869898
PEX6	6.34454	5.04292	-0.331255	0.48332
INCA1	0.559023	0.501184	-0.157567	0.962439
GNA11	7.46565	10.0728	0.432133	0.344674
RBMS2	7.01012	4.13341	-0.762106	0.129356
CEP72	6.33113	4.99784	-0.341157	0.493853
NPAS1	1.88294	0.632102	-1.57475	0.010797
ZNF445	1.02464	1.11532	0.122345	0.923433
PTRHD1	47.1409	64.9228	0.461746	0.778897
GTF2IRD2	0.0885818	0.0460981	-0.942303	1
SPTY2D1-AS1	0.0378864	0.0889623	1.23151	1
ZFFM1	2.1497	1.72035	-0.321431	0.759915
ZNF746	10.8895	14.0029	0.362784	0.298586
MAGI3	0.405696	0.419702	0.0489634	0.986822
C12orf75	23.4253	32.6194	0.477664	0.0941664

PDCD6IP	14.5584	12.4376	-0.227136	0.637514
COQ10A	11.8425	10.1555	-0.22171	0.739919
ATF2	3.99989	3.9344	-0.0238156	0.991459
XRRA1	9.01196	5.9817	-0.591285	0.0451064
CINP	23.8518	28.2196	0.242595	0.654699
KLHL17	13.9956	23.7848	0.765072	0.00509212
VWA5A	3.19098	1.96991	-0.695872	0.049309
AHDC1	1.35552	2.26931	0.743402	0.0419471
QARS	84.828	79.6531	-0.0908093	0.938194
ACOT8	16.6278	14.8108	-0.166946	0.935723
LOC100289511	0.0574599	0.0832111	0.534221	1
RGS5	0.36888	0.256334	-0.525123	0.675553
TCP11	0.0348476	0.0180145	-0.951903	1
TRIM32	7.25681	8.17809	0.172428	0.823379
RASAL2	0.728345	0.757093	0.0558482	0.979701
JAK2	0.328976	0.273665	-0.265571	1
RAD50	2.56709	1.64877	-0.638742	0.0306129
RUNC1	4.712	6.95106	0.560892	0.0710419
STAT5B	7.12095	4.50706	-0.659884	0.0172978
ZSWIM8-AS1	2.78068	2.26556	-0.29557	0.944538
CDT1	67.7525	34.0149	-0.994105	0.00134142
SNORD15B	15.7264	17.5363	0.157155	0.992939
ERMPI	4.10875	2.34925	-0.806499	0.00509212
RPP14	5.40774	6.94493	0.360934	0.356572
ZXDB	3.74702	2.78073	-0.43028	0.226083
SDCCAG3	98.1803	86.7755	-0.178146	0.778996
ANG,RNASE4	22.6399	7.07998	-1.67705	0.00134142
LATS1	1.9898	1.48803	-0.419217	0.393354
TLCD1	11.807	13.4317	0.186007	0.988714
IL6ST	2.3049	2.875	0.318859	0.40651
CEBPD	28.7856	40.0663	0.477039	0.190811
MCC	0.0288242	0.0258716	-0.155914	1
MVP,PAGR1	23.4084	33.4562	0.515251	0.0562227
SYT2	0.0124148	0.0205423	0.726533	1
KRTAP5-6	0.0521664	0	#NAME?	1
ANXA4	17.5144	11.819	-0.567443	0.0459324
BBS10	2.01951	1.64134	-0.29913	0.623055
IMMP2L	11.2022	5.5994	-1.00044	0.00243047
KLF3	2.79026	2.0318	-0.457642	0.184926
LOC100505624	0.0591404	0.0124051	-2.25321	1
TAOK1	3.13657	2.71068	-0.210531	0.700253
CCNJL	6.05691	6.37943	0.074844	0.963799
TCFL5	6.31778	4.93002	-0.357825	0.719483
KIAA1147	3.3095	2.86488	-0.208136	0.730089
AJUBA	11.4316	8.57998	-0.413978	0.192415
KRTAP5-7	0.026021	0.0564151	1.1164	1
TOX2	10.4725	3.78667	-1.4676	0.00134142
LYSMD1	1.78963	1.86305	0.0579999	0.991767
LOC285074	11.3893	11.0185	-0.0477465	0.979701
ZNF324	4.26326	5.97138	0.486109	0.205335
DGAT1	28.7681	49.0362	0.769377	0.195403
EPB49	18.0878	13.6017	-0.41123	0.238699
TEP1	0.976522	0.72302	-0.433617	0.315759
ACAD10	1.9739	1.3444	-0.554083	0.184926
NOMO2	0.76626	0.713509	-0.102902	0.965607
POGK	12.2428	16.1436	0.399037	0.190295
FMNL1	0.0117259	0.0176087	0.586592	1
ITFG2	3.38511	3.48564	0.0422232	0.987334
HPS4	5.73519	3.19277	-0.845034	0.00243047
LRRC37B	1.73237	1.02405	-0.758455	0.0983149
BRK1	78.1981	80.129	0.0351918	0.985325
SLC25A36	13.0088	8.67329	-0.58484	0.021138
SH3BP5	5.96889	6.5033	0.123711	0.918983
CEBPA	21.602	30.9533	0.518929	0.0749662
FAAH	8.22413	8.14381	-0.0141593	0.995709
TUBGCP6	5.27729	5.40713	0.0350658	0.987334
TTLL6	0.0327419	0.007969	-2.03867	1
SIN3B	7.68963	10.1309	0.397775	0.24535
RHOQ	13.8949	10.4219	-0.414939	0.285855
FAM86C2P	0.889872	0.8072	-0.140671	0.958201
PTAR1	1.36986	1.18404	-0.210308	0.765268
ZNF791	1.05341	0.946934	-0.153733	0.92969
KCNIP2	0.135523	0.289718	1.09611	1
CD37	0.0669297	0.070365	0.0722125	1
GORAB	1.7546	1.39779	-0.327994	0.62349
RNF133	0.00883081	0.0485603	2.45916	1
CHRNE	3.58428	4.13239	0.205294	0.969061
LOC388948	0.0155293	0	#NAME?	1
PRDM12	1.48464	1.58192	0.0915677	0.976618

CCNDBP1	10.0374	7.06966	-0.505669	0.0694871
NADSYN1	28.9993	29.3867	0.0191469	0.992797
CLEC3B	1.33584	1.68501	0.335008	0.851868
GUSBP4	0.416144	0.195546	-1.08957	0.519925
MUC1	3.27017	2.19073	-0.577951	0.272974
KCNQ5	0.00204646	0	#NAME?	1
CGN	1.76056	1.74499	-0.012812	0.996079
CCDC14	4.1896	3.76653	-0.153576	0.863873
ZMIZ1	1.61562	0.952776	-0.761875	0.0231741
SOCS6	2.15264	1.99455	-0.110047	0.932264
RAB3B	2.74576	2.44415	-0.167872	0.815773
ZNF688	5.34732	5.09695	-0.0691822	0.979733
NPR2	1.80893	3.12536	0.788884	0.0235476
MAST1	4.36516	2.24156	-0.961533	0.00337323
BMS1P6	0.00255541	0	#NAME?	1
CUEDC2	76.2171	72.1755	-0.0786065	0.954049
ZSCAN21	1.42527	1.26143	-0.176173	0.984917
DTD2	3.95181	4.85263	0.296251	0.567105
MLL	0.90149	0.824284	-0.12917	0.90704
SP100	14.3647	12.6986	-0.177858	0.823658
FDXR	39.1894	39.0547	-0.00496795	0.99714
IGF2,INS,INS-IGF2	0.00704653	0.00223647	-1.65569	1
KANK2	2.03506	2.45456	0.270392	0.685214
TYSND1	14.0344	9.10426	-0.624354	0.0240561
SNX27	3.095	3.99654	0.368811	0.322165
PC	1.52509	1.50137	-0.0226178	0.99714
FERMT2	0.0249954	0.00683711	-1.8702	1
PPM1A	3.63881	3.77272	0.0521381	0.979701
SLC51B	0.018859	0	#NAME?	1
ENKUR	0.0946924	0.181667	0.939976	1
FUT4	3.0242	6.64194	1.13505	0.00134142
IER5L	25.1899	62.5991	1.31329	0.00134142
UGCG	6.37167	3.48711	-0.869639	0.00818401
LRTOMT	1.16625	0.651597	-0.839821	0.851624
HPS1	30.2032	28.4872	-0.0843845	0.957507
C15orf27	0.0165907	0.0237805	0.51941	1
ZNF184	1.75236	1.51322	-0.211676	0.828589
MYO1D	3.26429	2.9887	-0.127248	0.916475
FHOD3	0.0461199	0.079181	0.779766	1
GPR68	0.250425	0.197012	-0.346091	1
PTGES	0.0934217	0.0628384	-0.57211	1
MR1	0.970207	0.379085	-1.35577	0.00134142
PPCS	35.843	26.5717	-0.4318	0.166396
CCDC107	13.6113	10.6324	-0.356331	0.760508
PLCG1	12.5529	12.7246	0.0195973	0.992797
STK36	2.64864	2.47812	-0.0960087	0.979733
MAST2	17.967	21.0946	0.231526	0.620054
ACYP2	2.68215	3.47994	0.375674	0.603757
EIF3F	382.179	387.543	0.0201088	0.992797
FOXO3	4.93618	2.51212	-0.97449	0.00134142
TRPM6	0.0470672	0.0221241	-1.0891	1
C4orf33	5.13161	1.79577	-1.51481	0.00134142
ABCB7	13.6133	7.77113	-0.808819	0.00134142
LIPT1	7.3633	3.88795	-0.921341	0.00243047
ATN1	36.2538	33.0113	-0.13517	0.868277
SUMF2	58.7864	39.5985	-0.570036	0.0799746
TXNRD3,TXNRD3NB	2.99781	3.01599	0.008724	0.997036
BAX	174.064	228.72	0.393966	0.219645
THPO	0.213039	0.0734669	-1.53595	1
AMIGO1	2.3127	2.11171	-0.131162	0.935939
MPP2	4.93924	2.53349	-0.963165	0.00134142
IRAK1BP1	1.50536	0.829929	-0.85905	0.199241
UBA52	355.445	402.06	0.177782	0.799255
SMAD4	3.86658	3.15934	-0.291432	0.4748
PIDD	12.7053	11.9353	-0.0901929	0.952469
ZNF253	1.36432	1.06728	-0.354246	0.629687
TNFRSF1A	27.7839	44.0596	0.665206	0.00593755
FBXL19-AS1	0.272942	0.469225	0.781685	0.878389
ZFYVE20	3.47302	3.57496	0.0417378	0.981044
CDK5RAP3	27.9777	25.6079	-0.127684	0.889644
AKR7A3	9.95524	9.64649	-0.0454515	0.985982
GNB5	7.74721	6.13928	-0.335609	0.429337
AK3	6.87943	6.0331	-0.189391	0.78079
FNBP1	0.00863874	0.00745255	-0.213086	1
PSD4	1.58787	1.64963	0.0550479	0.981044
SPON1	0.0269518	0.0349043	0.373021	1
TMSB10	5403.15	6424.73	0.249835	0.650855
LOC730101	1.34944	2.02782	0.587563	0.124106
ACBD7	1.92211	2.87812	0.582434	0.0932788

SLC23A2	0.867783	0.910005	0.0685412	0.977103
SLC25A38	44.2885	54.6873	0.304273	0.413471
FAM126B	0.968481	0.922276	-0.0705242	0.969963
TNFRSF21	2.96138	6.74396	1.18732	0.00134142
RPL3	3642.79	3660.71	0.00708196	0.997082
COL4A3BP	4.22096	3.15435	-0.42023	0.292417
MLL5	4.67558	3.56921	-0.38954	0.243408
SLC25A29	40.5638	39.6729	-0.03204	0.987627
GLS2	10.7348	7.26704	-0.562857	0.226665
CASP7	4.13218	5.7424	0.474749	0.189667
TBCD	11.768	12.773	0.118232	0.90608
C9orf174	0.413194	0.348405	-0.246053	0.85843
CORO6	0.0189372	0.0628134	1.72985	1
HIST1H2BN	1.55572	2.02624	0.381225	0.875703
PDGFA	5.24081	6.08717	0.215984	0.788214
RNPEPL1	43.8897	41.207	-0.0909916	0.937765
WDR90	5.27796	5.86793	0.152871	0.870173
TMEM106A	0.54543	0.545725	0.000780838	0.998951
NMU	17.9305	26.9051	0.585463	0.0678232
TUBD1	1.58328	2.39941	0.599765	0.184116
GLCE	1.10732	1.14853	0.0527145	0.981044
MECP2	25.6359	22.3878	-0.195458	0.815612
ZNF205-AS1	0.286569	0.255931	-0.163125	1
SHARPIN	81.9025	72.5961	-0.174015	0.787528
BTLA	0.00337409	0	#NAME?	1
KRTCAP3	0.673397	0.846154	0.329465	0.977332
GABARAP	335.299	251.939	-0.412373	0.179474
NUDT12	2.46625	1.30997	-0.912789	0.00672555
PRKAG1	38.8581	26.2998	-0.563163	0.0390303
PLAGL1	9.01036	5.22674	-0.785675	0.00243047
ENTPD2	117.507	95.1606	-0.304311	0.415527
RPS4X	3015	3258.65	0.112115	0.92969
PSRC1	27.5061	40.9383	0.573699	0.0331269
AAMDC	24.0972	19.6288	-0.295889	0.638558
RAB17	0.0489429	0.0250278	-0.967567	1
LTK	37.7768	31.2418	-0.274023	0.519111
MLL4	5.94851	7.31274	0.297884	0.462725
C9orf43	0.32909	0.467062	0.505129	0.981044
DDC	0.027754	0.011614	-1.25683	1
ZNRD1	82.571	107.344	0.37854	0.245718
NTAN1	22.7191	21.677	-0.067743	0.967901
CPNE1,RBM12	80.4938	75.4225	-0.0938837	0.956807
ANKIB1	2.48022	2.03972	-0.282092	0.580748
GAA	51.015	41.939	-0.28263	0.482085
FCGBP	0.0296788	0.016688	-0.83062	1
ASXL1	10.8985	11.2637	0.047543	0.987858
TIMM9	41.85	28.8834	-0.534988	0.0634431
RGS12	2.16496	2.22507	0.0395068	0.988142
GALK2	8.53696	4.42467	-0.948151	0.00134142
ZMYM5	4.29238	3.1175	-0.461388	0.366894
LOC100129250	14.8119	13.6823	-0.114441	0.980663
CTSW	0.0145888	0.0292539	1.00376	1
SNAPC3	2.53807	2.06319	-0.298856	0.636639
LOC401321	2.23896	2.66807	0.252968	0.702044
C19orf38	0.169784	0.124602	-0.446377	1
PHKA2	3.72274	2.84216	-0.389376	0.312486
RAB3D	11.837	9.86759	-0.262538	0.563736
CARD6	0.906251	0.699097	-0.374417	0.570193
MFAP3L	0.226614	0.488804	1.10902	0.0126858
GCSAM	0.194884	0.355285	0.866359	0.176896
DYRK1A	4.67016	3.61716	-0.368613	0.303951
CDR2	7.85685	12.7042	0.693279	0.00743393
SPATA6L	0.483355	0.245803	-0.975583	0.539266
HSD3BP4	0.00142298	0.000998362	-0.511285	1
HOOK1	0.00378083	0	#NAME?	1
C4orf36	0.306357	0.240142	-0.351323	1
CAMK2G	5.48745	5.71724	0.0591835	0.974631
ZBTB2	5.01295	6.93981	0.469234	0.1419
GDF2	0.00921583	0	#NAME?	1
THNSL1	8.61859	8.01774	-0.104257	0.923575
OSCP1	1.47088	1.01425	-0.536257	0.609543
MLL3	1.28174	1.05092	-0.286457	0.536091
NUDT16L1	27.7423	33.9629	0.291873	0.524713
TMEM63C	1.42035	1.32911	-0.0957901	0.961224
VMP1	58.6809	63.6304	0.116826	0.905597
DHRS11	11.9696	7.65283	-0.645314	0.0580464
MYO6	1.60597	1.12915	-0.508212	0.126783
CEP152	1.06133	0.867368	-0.291156	0.657573
AP5Z1	9.6976	11.5822	0.256203	0.585388

SPATA6	0.50418	0.191673	-1.39529	0.00243047
RIMBP3C	0.0125912	0.0148096	0.234121	1
TMLHE	6.41968	3.569	-0.84698	0.0240561
CFL2	12.8189	9.51454	-0.430061	0.164179
RPL10A	2862.95	2925.97	0.0314131	0.987858
HBG1	0.268354	0.297841	0.150407	1
ATG9B	1.06366	0.860415	-0.305939	0.930066
DENND1C	0.196219	0.0727437	-1.43157	1
HOXB3	2.94356	3.87153	0.395339	0.368883
PRDM15	0.662317	1.61375	1.28482	0.00134142
LTN1	1.09575	0.856276	-0.355765	0.456061
ZBTB6	2.59813	2.69594	0.0533145	0.979701
B2M	724.691	720.083	-0.00920183	0.997036
ZER1	30.7466	18.3511	-0.744558	0.00134142
C14orf101	3.33803	2.23651	-0.577746	0.0838642
FBXL5	7.06479	6.19445	-0.189671	0.782383
B4GALNT4	12.352	14.8552	0.266215	0.599424
LOXL1-AS1	1.13427	1.14821	0.0176225	0.997036
KIAA0430	1.86167	0.752849	-1.30617	0.00134142
UBL3	4.00892	3.01825	-0.409502	0.268118
FLII	61.2691	56.2389	-0.12359	0.913628
HKDC1	1.28451	0.184728	-2.79775	0.00134142
COP2	14.6949	14.877	0.017765	0.99316
NECAP2	22.334	25.7829	0.20717	0.706761
RPL19	5314.36	5741.76	0.111596	0.928653
OPHN1	1.70567	1.60975	-0.0834973	0.959227
KLHL42	2.93077	3.35357	0.19442	0.771544
VASN	1.66667	2.39019	0.520157	0.961432
CHMP7	17.0227	22.0018	0.370159	0.271746
TBC1D8	1.93872	2.34195	0.272607	0.989365
PORCN	14.314	12.9981	-0.139126	0.891331
TGFBR2	0.897226	0.859187	-0.0624999	0.979733
IRAK4	3.28777	2.20046	-0.579302	0.0780546
RNF19A	6.30984	4.601	-0.455654	0.145992
C19orf57	0.6322	0.837292	0.405351	0.688363
ISM2	0.00748178	0.00455171	-0.716975	1
PLXNC1	0.570938	0.353911	-0.68995	0.210185
SSH3	17.9213	17.6125	-0.0250755	0.990857
LOC100288069	0.763526	0.517757	-0.560403	0.589726
LYRM7	1.2475	1.43264	0.199637	0.809416
ZNF14	1.73466	1.60575	-0.1114	0.950929
ZSWIM7	7.72611	7.08071	-0.125848	0.978703
SCARB2	20.7468	13.3102	-0.640353	0.0120701
GNA13	5.55022	4.45933	-0.315718	0.407055
PAPOLG	1.49657	1.28379	-0.221245	0.745122
YY1AP1	19.3891	18.1943	-0.0917616	0.940338
DGKA	9.30642	6.38778	-0.54291	0.0715857
PER1	4.96114	7.58196	0.611899	0.0423316
MAP2K2	142.265	144.772	0.0252078	0.989748
TNFRSF4	0.0251852	0.0187532	-0.425444	1
DYRK2	3.16379	4.3786	0.468817	0.144914
ZXDC	4.73093	4.04839	-0.224776	0.840803
HOXC8	1.94678	4.01352	1.04378	0.00425224
CALB2	13.5273	11.9986	-0.173002	0.84262
PIK3CD	2.42877	1.02131	-1.2498	0.448101
NAT8L	0.0150552	0.0111172	-0.437468	1
ING4	6.03164	4.24736	-0.505986	0.269734
KRT83	0.0340886	0.0230625	-0.563743	1
ZNF219	16.7375	15.7118	-0.091233	0.952905
HIST1H2AC	5.62676	6.93473	0.301535	0.832286
TMEM121	1.22686	1.48298	0.273536	0.913628
CCDC101	11.2597	12.1286	0.107244	0.949812
C8orf40	44.0749	22.5649	-0.965877	0.0704662
LRRRC49	1.27237	0.819826	-0.634131	0.168861
FAM122B	5.73871	8.02254	0.483333	0.14958
CUL4B	6.63875	3.23143	-1.03874	0.00134142
EFNA1	17.0074	22.9038	0.429427	0.203359
EIF4E3	2.93853	1.84329	-0.672807	0.021138
SNORA76	8.93001	26.9653	1.59437	0.511286
KIAA1432	1.39299	1.27279	-0.130196	0.919186
CKAP2L	2.40612	1.49419	-0.687343	0.0544049
PRKRA	18.6805	21.0437	0.171856	0.880508
MMP11	6.94485	4.81995	-0.526927	0.166117
DLGAP4	22.0259	19.1797	-0.199623	0.733942
ZNF616	1.04734	0.879477	-0.252015	0.800125
FANK1	0.647998	0.22636	-1.51737	0.0447795
RCOR3	3.38517	2.686	-0.333767	0.563736
UGT3A1	0.00494097	0	#NAME?	1
MAP3K14	2.85895	3.16015	0.144504	0.907651

GSTM1	32.7566	30.7997	-0.0888683	0.947008
ZC3H11A	14.7249	15.1876	0.0446348	0.979701
KCNRG.TRIM13	3.63649	2.83468	-0.359359	0.482631
CDC25C	5.28232	2.84705	-0.891702	0.0101293
GPSM3,NOTCH4	0.150527	0.190528	0.339976	1
PPM1J	20.4787	21.0571	0.0401828	0.984917
TCEAL1	10.3634	8.96627	-0.208925	0.797088
ZNF195	5.50094	4.96641	-0.147474	0.874082
PVRL3	1.36028	1.22391	-0.152408	0.897241
PVRIG	0.04449	0.0813343	0.87038	1
PAIP2B	2.03107	0.822232	-1.30462	0.00134142
DGCR6L	71.5903	85.6687	0.259005	0.554656
DLGAP5	6.77849	6.89165	0.0238853	0.991459
SURF1	38.9838	33.2581	-0.229167	0.673626
PSTK	2.53072	2.13836	-0.243043	0.830384
CHD8	3.22297	4.23109	0.39264	0.240188
SPSB3	40.5588	29.2267	-0.472731	0.133194
CACFD1	5.61355	3.48772	-0.686629	0.0414844
CD3G	0.0104853	0	#NAME?	1
RNF25	24.8476	41.1607	0.72816	0.010797
GON4L	1.86423	2.01201	0.110058	0.932468
TPGS2	34.93	27.9565	-0.321285	0.576801
MAGED2	36.0043	32.4206	-0.151256	0.833258
EPC1	4.76884	3.02094	-0.65864	0.030165
LRRC26	5.91433	8.82136	0.576785	0.437712
TAS2R3	0.0133431	0.0525374	1.97725	1
ZNF780B	0.585295	0.759718	0.3763	0.454347
GUCA1B	1.03595	1.7249	0.735556	0.113441
FLJ14107	0.0280554	0.0520999	0.893001	1
RAB11B-AS1	3.45313	2.14789	-0.684985	0.974848
LOC100288778	12.0235	9.55788	-0.33109	0.537496
KLC3	31.8652	22.8801	-0.477893	0.432599
ZNF430	1.09124	0.993429	-0.135484	0.929635
SGSH	14.412	11.5349	-0.321263	0.445908
C2orf16	0.0807741	0.0778496	-0.0532031	1
LOC92249	4.47901	2.8182	-0.668409	0.049309
SLC26A1	0.563108	0.621561	0.142483	0.986579
FTX	0.491308	0.518774	0.0784783	0.990857
MED15	20.1024	12.7494	-0.65694	0.0120701
C12orf61	0.375375	0.314834	-0.253742	0.940338
EPHX1	16.2679	14.7173	-0.144516	0.930066
MAN2A2	7.28757	7.85887	0.108885	0.919029
UBE2H	10.4882	8.66193	-0.276006	0.504136
LOC100132077	0.173358	0.191596	0.144314	1
BMPR2	0.657516	0.513092	-0.35781	0.477937
PAK4	32.571	32.6411	0.00310149	0.998417
RGL3	10.8204	5.84236	-0.889138	0.00134142
SIGIRR	40.6535	50.7877	0.321099	0.379976
ZFAND2A	17.5228	22.7878	0.379033	0.344255
ADPRHL1	3.39165	2.20705	-0.619868	0.18476
VTRNA1-3	117.489	35.4415	-1.72901	0.828589
RETSAT	15.5816	11.8787	-0.391464	0.234793
SLC44A1	10.0772	7.15369	-0.49433	0.0786602
C19orf70	96.7489	126.435	0.386074	0.240737
MSRB3	0.388561	0.299454	-0.375804	0.70303
MXD4	23.937	23.7825	-0.00934353	0.99647
PARP16	8.3396	4.67106	-0.836228	0.00337323
ZNF799	1.63526	1.77286	0.116558	0.949156
TYK2	16.6397	17.4679	0.0700846	0.961026
LOC387895	0.121873	0.216088	0.826241	1
LBX2	5.89251	3.37758	-0.802892	0.651901
MAPK14	8.70894	9.0923	0.0621481	0.967901
VEGFB	70.705	58.7233	-0.267878	0.516847
ZNF41	0.231131	0.226368	-0.0300425	1
ARL17A	0.184308	0.274532	0.574856	1
DOCK11	0.706002	0.406364	-0.796899	0.036221
ZYG11A	0.00329581	0	#NAME?	1
HINFP	10.0896	10.041	-0.00696604	0.997036
CDC25B	19.4746	20.2005	0.0527988	0.976214
TRIM47	14.3086	28.045	0.970858	0.00134142
TMEM246	24.6177	28.6195	0.2173	0.687488
PION	0.805074	0.549749	-0.550349	0.348669
ST13	84.2657	88.7942	0.0755191	0.956657
GATS	1.65152	2.55335	0.628596	0.133781
LOC100288198	0.460468	0.371702	-0.308952	0.978981
VPS41	2.74428	1.7204	-0.673677	0.0270114
RIMS3	0.767545	0.768209	0.00124611	0.999427
ZBTB14	1.48557	1.39998	-0.0856142	0.967702
CMTM3	56.8819	65.6123	0.205997	0.689901

CRADD	8.459	7.38368	-0.196147	0.834115
ATP5L	136.227	155.728	0.193015	0.791105
LINC00669	0.553549	0.0671466	-3.04333	0.00509212
LOC100506305	0.0200108	0	#NAME?	1
HLA-DRB1	0.0311106	0.0889493	1.51558	1
THAP2	0.458032	0.320798	-0.513783	0.845969
FBXL3	5.22936	4.00443	-0.385039	0.294176
RPSAP9	8.05397	8.70585	0.112285	0.931471
TBCC	18.1674	21.3051	0.229849	0.693169
LRTM2	0.022427	0.030946	0.464517	1
LRRC37BP1	4.08784	3.70426	-0.142154	0.876568
ZNF490	1.50345	1.02733	-0.549378	0.154233
PAG1	0.0707193	0.0413203	-0.775253	1
KIAA0391	13.6018	13.9705	0.0385817	0.985921
ZNF615	0.579764	0.565783	-0.0352156	0.990994
NUDT2	47.1099	32.834	-0.520841	0.0713011
CERCAM	66.8531	65.5035	-0.0294219	0.987858
STK25	73.3289	95.2107	0.376742	0.252718
RNF26	22.9262	25.8601	0.173734	0.797849
SUPT3H	3.72068	1.34059	-1.4727	0.00134142
HOXB7	19.987	21.1093	0.0788167	0.959465
CCDC104	46.7324	36.0666	-0.373762	0.253393
PLEKHA6	1.35868	1.32062	-0.0409965	0.987334
GTF2H2B	1.87686	3.61247	0.944662	0.00134142
TMPRSS7	0.00528183	0	#NAME?	1
MYL6B	104.248	97.9334	-0.090146	0.942519
NDST2	5.80081	6.02124	0.0538077	0.978196
CEACAM22P	0.00974447	0.00620751	-0.650569	1
GPN1	26.475	31.8799	0.268017	0.799255
TOM1L2	3.62565	2.32376	-0.641777	0.036526
PPP1R3D	1.6539	1.80742	0.12806	0.967901
CAPN7	3.06937	2.49021	-0.301675	0.534473
CCDC146	0.370987	0.376876	0.0227189	0.995874
CRTC2	17.0251	19.0553	0.162531	0.821056
TMEM51-AS1	0.0976684	0.0816298	-0.258796	1
TRIO	2.21808	1.79094	-0.308594	0.501903
TRAPPC9	8.04724	5.61973	-0.517992	0.0897447
LOC729970	1.88849	0.959566	-0.976781	0.0786602
IL17B	0.0674856	0	#NAME?	1
KIAA1328	0.349712	0.213587	-0.711344	0.945602
MMAA	0.426699	0.431485	0.0160928	0.996079
LAMC3	0.112971	0.0516534	-1.12901	1
ARL4A	3.01856	3.81506	0.337844	0.464005
RAPH1	0.772824	0.545253	-0.503213	0.212722
LOC282997	1.86935	1.05189	-0.829561	0.0813633
C1orf115	3.0398	2.0337	-0.579871	0.144603
SERPINB6	92.4619	76.9033	-0.265813	0.52724
SH2D3A	7.00686	5.72525	-0.291428	0.629626
ELK4	3.85443	3.71161	-0.0544717	0.982359
TTC33	1.42025	1.24717	-0.187488	0.831858
CTNNA2	0.00361141	0	#NAME?	1
ASGR1	12.8388	7.42715	-0.78963	0.0162707
AMOTL1	0.0364285	0.0198206	-0.878067	1
USP47	5.29868	4.84439	-0.129318	0.88709
FAM3B	0.202037	0.154455	-0.387431	1
SLC22A15	1.00503	0.516171	-0.961321	0.0114515
GOPC	4.41464	4.83379	0.130859	0.893249
FRAS1	0.960829	0.494413	-0.958563	0.00134142
ASPRV1	0.708834	0.35652	-0.991465	0.272575
ACVR2A	0.677995	0.668436	-0.0204845	0.997036
PCDH18	0.0611411	0.030664	-0.995598	1
TMTC2	0.178018	0.209425	0.234407	1
FLT3LG	7.63964	5.62157	-0.44253	0.458034
GNB2L1	2943.35	2879.45	-0.0316683	0.988533
LOC646719	1.98006	1.92749	-0.0388194	0.98741
HEBP2	48.4905	51.6546	0.0911942	0.937813
KIAA1598	3.21159	2.48777	-0.368436	0.346533
RB1CC1	5.48245	2.73541	-1.00306	0.00134142
MBTD1	2.26495	1.29093	-0.81107	0.0114515
DUSP1	48.4498	28.6886	-0.756013	0.00337323
CHAD	0.0138316	0.0112965	-0.292089	1
WASH2P	8.86074	6.22316	-0.50978	0.175545
MDM4	3.59506	3.4402	-0.0635268	0.96926
BRD9	10.8429	17.585	0.697588	0.009453
MGMT	64.6299	58.7861	-0.136727	0.869898
ATP1A1OS	3.01125	2.99756	-0.0065756	0.99926
WWC2	0.824599	0.880257	0.0942333	0.966946
RNF169	1.00174	0.643921	-0.637547	0.565921
MTCH1	27.4404	30.4069	0.1481	0.851892

HNF1A-AS1	0.00597625	0.0125202	1.06695	1
PLA2G12A	4.03837	4.79406	0.247474	0.624281
METTL9	19.7677	19.6382	-0.00948808	0.996453
C8orf46	0.0229866	0.040627	0.821644	1
TRPM4	7.47175	4.96881	-0.588546	0.0658487
CABLES2	1.77901	3.18897	0.842019	0.0132924
ZSWIM1	4.24557	3.92423	-0.113548	0.934459
TAF12	29.7909	27.3478	-0.12345	0.904202
DOK4	12.656	12.1415	-0.0598737	0.989344
BPHL	16.1769	12.6156	-0.358727	0.367974
BOD1	34.5378	29.1645	-0.243962	0.606431
HIF1A	1.8696	1.65315	-0.177504	0.957507
MEX3A	4.00284	5.60116	0.484703	0.109906
ATP13A3	7.31358	7.41911	0.0206679	0.991767
UBXN6	132.254	108.917	-0.280073	0.490719
HLA-F-AS1	1.70586	2.552	0.581131	0.933023
MID1IP1	25.4917	27.2171	0.0944848	0.942878
LOC440434	8.51368	7.33887	-0.214224	0.760508
RBAK,RBAK-LOC389458	34.6992	31.1826	-0.154161	0.961224
UNC119	71.54	59.9075	-0.256013	0.556835
MAML2	0.0286919	0.00521868	-2.45889	1
LINC00526	1.54652	1.32217	-0.226119	0.895818
HRASLS	0.210933	0.17326	-0.283846	1
KIAA1430	7.52633	6.33525	-0.248544	0.581978
TMEM107	8.62605	4.20768	-1.03567	0.00134142
DNASE1L1	14.1197	9.12514	-0.629792	0.911895
LOC100507032	1.41564	1.05141	-0.429133	0.39951
DGKQ	5.39578	6.75042	0.323148	0.474762
MYO5C	0.571753	0.334977	-0.771328	0.077181
GSTM3	15.261	17.1567	0.168923	0.806389
PPIEL	0.0773838	0.185729	1.2631	1
AMZ2	43.4202	31.405	-0.467376	0.110937
EMP3	138.614	161.535	0.220777	0.679982
SMIM16	0.0195093	0	#NAME?	1
XRCC6BP1	5.46138	5.43855	-0.00604342	0.99714
AHCY	173.719	182.49	0.0710555	0.959465
LOC340074	0.00690879	0	#NAME?	1
ITGAE	3.06052	5.56393	0.862326	0.036526
HARB1	1.35594	1.56445	0.206367	0.897241
C19orf54	7.83947	3.45713	-1.18118	0.0790043
LOXL4	0.00935587	0.00391301	-1.25759	1
CEP70	2.76273	1.89044	-0.547374	0.1419
TNRC6B	1.15507	0.610726	-0.919384	0.00337323
CDCA7L	30.9171	19.9064	-0.63517	0.0126858
ERCC4	0.572414	0.607996	0.0870017	0.967901
CISD3	14.0307	18.8058	0.422585	0.632357
AKAP5	0.0901239	0.137448	0.608906	1
UBN2	1.05139	0.800069	-0.394095	0.300944
GTF2H5	3.38793	3.46102	0.030791	0.987858
PLEKHF2	5.98054	4.09128	-0.547724	0.0813633
ATP5SL	26.6663	29.8534	0.162879	0.826959
C21orf49	0.0122195	0	#NAME?	1
NGEF	12.1492	4.61556	-1.39628	0.00134142
TOB2P1	0.740282	0.701511	-0.0776098	0.979701
AHNAK	12.7042	11.9074	-0.0934444	0.974494
CEP164	1.98516	2.10963	0.0877402	0.959465
INSC	0.00551003	0	#NAME?	1
TARSL2	2.52159	3.18815	0.33839	0.488907
ING2	9.20304	9.39271	0.029432	0.990857
ST8SIA5	0.0654869	0.0164984	-1.98888	1
HOXD-AS1	2.11206	1.30794	-0.691348	0.064193
PAFAH1B3	96.7178	119.921	0.31023	0.46196
BACE2	16.7409	16.9104	0.0145348	0.994615
ITPKC	5.27151	10.9854	1.0593	0.00243047
RTN4RL2	23.9454	17.6773	-0.437857	0.328217
BTBD9	1.33584	1.59196	0.253056	0.698141
RPS6KB1	2.77801	5.33503	0.941444	0.00134142
SMYD3	21.4381	11.8935	-0.85	0.00134142
ARHGEF10	5.84572	6.04158	0.0475452	0.979701
SNORD83B	26.8804	37.7859	0.491296	0.968205
SERPINF1	0.227029	0.373536	0.718369	0.585481
DENND6A	3.12596	2.32362	-0.427925	0.250936
RTEL1,TNFRSF6B	6.26052	8.91699	0.510274	0.669758
CTBS	3.15784	1.40254	-1.17089	0.00134142
KLHL25	3.37343	5.78797	0.778843	0.0114515
WDR60	1.80969	1.51016	-0.261048	0.732349
ADARB1	3.13508	5.17447	0.722906	0.0189207
SNX25	4.71685	3.86988	-0.285532	0.59496
CDON	0.253448	0.304565	0.26506	1

CCDC41	1.4562	2.38098	0.709347	0.0431891
LOC387723	0.840515	0.738338	-0.186992	0.925586
SLC26A6	8.37791	9.26863	0.145766	0.881851
HERC2P9	3.00917	4.53964	0.593213	0.0757506
ULK1	6.36862	3.01046	-1.081	0.00134142
ALG13	3.89466	4.17792	0.101286	0.946274
TTG37	1.35195	1.01919	-0.407617	0.363804
FZD7	3.67052	3.06591	-0.259668	0.693225
LOC100506469	5.75069	5.52938	-0.0566176	0.996453
CNIH3	0.0158073	0.0208138	0.39695	1
SELRC1	4.40525	7.21462	0.7117	0.0217078
CCDC176	0.34178	0.192613	-0.827361	1
RANBP17	0.364075	0.292359	-0.316494	0.783837
KIAA2026	0.580639	0.558928	-0.0549781	0.98297
UPK1A	0.0539676	0.124939	1.21106	1
MRI1	10.9668	12.9505	0.239863	0.639928
C15orf40	13.2386	13.2234	-0.00166026	0.999427
STRADB	17.0902	14.4461	-0.242482	0.618032
OGFOD3	5.28953	7.34402	0.473432	0.619039
MTMR4	6.94234	5.00838	-0.47108	0.106054
HTT	4.21195	3.96006	-0.0889658	0.942878
SCUBE1	0.0112264	0	#NAME?	1
RWDD2A	3.46956	3.03963	-0.190857	0.967901
ATP5G2	737.793	669.351	-0.140453	0.855981
SCNM1,TNFAIP8L2,TNFAIP	10.448	10.6956	0.033784	0.988657
POM121C	10.2609	10.294	0.00465706	0.997535
DNASE1L2	1.88069	3.47902	0.887417	0.10214
MRC2	0.0120568	0.00903057	-0.416955	1
DDX60L	0.280552	0.26434	-0.0858734	1
FAM156A,FAM156B	0.454153	0.539424	0.248242	0.887209
TNK2	7.99992	8.33304	0.0588583	0.9755
SF11	6.32471	3.82241	-0.726519	0.540366
C5orf22	2.96807	3.23346	0.12355	0.920505
SBF2	2.00651	0.914812	-1.13314	0.00134142
AP4M1	23.444	22.1943	-0.0790336	0.993379
APOL6	0.146529	0.0586153	-1.32184	1
ARHGAP44	2.83907	2.49599	-0.185805	0.978942
MRM1	7.42948	8.3433	0.167356	0.871902
INPP1	10.0847	11.5094	0.19065	0.793371
ARID5A	9.81246	8.90431	-0.140111	0.899115
TRADD	9.60313	13.1044	0.448474	0.315903
ZSWIM6	1.96117	1.06654	-0.878775	0.00672555
PARP3	11.1436	6.9754	-0.675865	0.0194494
ADNP	9.6309	8.11045	-0.247887	0.585481
USP13	1.491	1.66141	0.156129	0.869885
MRPL45	46.9322	37.398	-0.327616	0.342801
ATPAF2	9.43089	10.8941	0.208079	0.778305
KRCC1	2.38773	1.06576	-1.16376	0.00337323
RGS16	4.57529	7.91141	0.79007	0.00882987
NTPCR	36.5213	29.9567	-0.285858	0.53058
TTC39C	22.2768	17.7217	-0.330029	0.726892
LOC100506746	0.548746	0.188799	-1.53929	0.0235476
SMC2	4.32626	3.86049	-0.164337	0.826299
LOC285819	0.354956	0.304314	-0.222083	0.980177
TIA1	6.34332	5.86745	-0.112504	0.916105
AKAP7	0.83545	0.548654	-0.606657	0.301426
TMEM99	9.0198	7.65654	-0.236402	0.872985
RNF2	8.31041	7.49368	-0.149244	0.853758
CPNE3	19.73	20.0903	0.0261089	0.989869
OAZ2	34.7976	37.6547	0.11384	0.912767
ZNF107	0.660673	0.743931	0.171234	0.900463
DECR2	17.4427	16.9512	-0.0412417	0.984947
VEZF1	6.65431	5.62237	-0.243112	0.613617
DVL3	15.7171	17.4331	0.149499	0.845125
SECISBP2L	1.84143	1.44205	-0.352699	0.416586
SFXN5	0.716451	1.83829	1.35942	0.00134142
PLEKHN1	1.66947	1.14297	-0.5466	0.416586
KCTD6	5.50023	6.43323	0.226053	0.768425
ACVR2B	1.18999	0.968646	-0.296913	0.574307
CDK5R1	2.2867	3.55912	0.638252	0.0626518
METTL1	7.37516	18.7278	1.34444	0.00134142
SGK1	2.43729	3.35312	0.460226	0.300944
MED23	1.68024	1.32081	-0.34725	0.50623
CXCR6	0.0226603	0.00964828	-1.23182	1
TMEM136	3.92111	2.87849	-0.445952	0.212023
FLJ31813	0.37555	0.283658	-0.40485	0.788441
UQCRB	51.1188	53.1325	0.0557414	0.974631
MZT2B	370.623	453.578	0.291399	0.66589
ADCK1	3.29677	3.76332	0.190955	0.863051

DIP2C	2.14443	1.50977	-0.506265	0.1365
LMOD1	0.137545	0.0549966	-1.32249	1
ZBTB47	1.53994	1.47579	-0.0613873	0.979701
TM2D3	17.8266	18.936	0.087101	0.950929
LOC100127888	1.02003	1.47771	0.534757	0.958902
HDAC5	15.5357	6.96491	-1.15741	0.00134142
FN1	0.0209695	0.0419005	0.998675	1
YOD1	1.75031	1.24635	-0.489901	0.180428
FRMD6	15.7901	17.239	0.126659	0.890088
H1F0	201.652	67.0878	-1.58775	0.00134142
CRKL	12.0803	13.0805	0.114755	0.907657
SEMA4G	4.00734	3.14468	-0.349732	0.887701
ATXN7	1.51059	1.33024	-0.183423	0.839401
WASH3P	12.2091	10.6157	-0.201752	0.771117
THG1L	20.01	14.7791	-0.43716	0.19586
VIM	6.77548	3.53914	-0.936922	0.00509212
C14orf79	5.1172	6.64195	0.376252	0.425888
LOC729059	0.0419338	0.0266422	-0.6544	1
ZSCAN30	1.1957	0.755432	-0.662479	0.286255
MAPK9	9.82284	15.1278	0.622988	0.0178668
PUS10	0.355217	0.145554	-1.28715	0.595511
TMF1	2.75863	2.70267	-0.029565	0.988533
TBC1D17	10.8262	7.84697	-0.464313	0.21617
UNC119B	9.72941	10.188	0.0664512	0.965735
CMTM4	11.0111	11.4487	0.0562298	0.974044
STXBP1	15.3601	13.2347	-0.214862	0.678263
BCAR3	5.87349	3.67833	-0.675169	0.0270114
GCF2	10.9172	10.1987	-0.0982123	0.959465
SEC31A	5.90654	6.29852	0.0927001	0.943606
DBNDD1	39.1179	40.1306	0.0368714	0.984917
FARP1	12.9041	10.4729	-0.301165	0.438087
LOC255512	2.71795	2.45436	-0.147169	0.959465
ESD	53.5958	41.9143	-0.354678	0.291528
DNAAF2	6.31407	9.15297	0.53567	0.0914856
MRPS6,SLC5A3	56.9481	93.8239	0.720307	0.010797
GSDMD	43.9265	40.3872	-0.121194	0.901132
ZNF652	0.799825	0.856007	0.0979387	0.950929
CACNB1	4.27833	5.79827	0.438575	0.252465
TMEM18	15.7347	17.5178	0.154868	0.831777
NNMT	0.0105935	0.00671613	-0.657481	1
KIF18A	1.38267	1.32362	-0.0629644	0.979701
SMAD2	5.18968	3.97756	-0.383761	0.230041
LOC401320	0.53711	0.277556	-0.952438	0.0599768
DIP2A	3.70492	3.27669	-0.177203	0.859569
BRMS1L	2.07919	3.83671	0.883846	0.00509212
GMIP	14.6372	11.8942	-0.299389	0.473708
SAP30L	2.77886	3.52754	0.34417	0.386954
FGF5	0.531049	0.690027	0.377809	0.557793
LARP1B	4.82666	6.23305	0.368914	0.341046
MAP3K14-AS1	0.771331	0.244193	-1.65933	0.80896
ADAT2	1.97814	2.75867	0.479823	0.14313
FCHSD2	3.78069	3.37701	-0.162904	0.851637
VAMP3	21.5303	23.5844	0.131464	0.878089
COG7	5.50753	5.02741	-0.13159	0.91236
ALDH1B1	19.2954	36.2862	0.911165	0.00134142
OSBP2	4.65137	3.0623	-0.60304	0.0601893
IQCC	1.51253	1.95499	0.370194	0.593697
FAM214A	1.26054	0.537852	-1.22877	0.00134142
LOC79015	0.0232097	0.00734695	-1.65951	1
MICAL1	15.1066	12.5223	-0.270672	0.553489
SSBP3	12.514	9.51753	-0.394881	0.287787
CNTRL	1.72412	0.893725	-0.947956	0.00134142
ARMCX2	0.135553	0.100629	-0.429806	1
CA11	10.8619	7.64455	-0.50678	0.177737
FAM13A	1.30541	1.32426	0.0206899	0.99351
DYRK3	9.57584	5.84818	-0.711411	0.0132924
PLOD1	114.421	79.5064	-0.525205	0.0615558
TRAF3IP2	3.88015	2.92142	-0.409444	0.311781
TMEM101	36.5174	23.5398	-0.633482	0.0167292
HDAC3	65.3393	64.9744	-0.00807924	0.997036
FAM160A2	8.84706	8.2972	-0.0925736	0.947247
TBC1D5	3.53642	1.38434	-1.35309	0.00134142
LOC100507066	0.0170862	0.012124	-0.494966	1
PCID2	26.0064	24.2372	-0.101641	0.929478
NMT2	3.41659	3.18877	-0.0995581	0.940106
PRR24	22.0798	21.4309	-0.04304	0.987423
ETV6	1.92493	1.68498	-0.192069	0.81342
THAP9	0.922941	0.294399	-1.64846	0.2815
CRAT	74.8085	58.0193	-0.36667	0.243246

SOS1	1.7713	2.04507	0.207342	0.753148
HIBADH	12.2639	7.68047	-0.675154	0.0194494
PIAS2	9.46967	6.07125	-0.641319	0.0150729
EXOC1	5.62446	2.96359	-0.924367	0.00134142
CLSTN3	8.52018	5.2878	-0.688216	0.0150729
BMI1,COMMD3,COMMD3-B	72.2636	53.2646	-0.440091	0.292226
FKBP9L	0.518688	0.278225	-0.898613	0.167979
ERO1L	34.7649	18.5397	-0.907011	0.00134142
BCAS1	0.00757995	0.00594053	-0.351598	1
VPS72	38.6182	39.3901	0.0285532	0.989268
GCNT1	0.933642	1.11866	0.260831	0.723055
NIPSNAP1	70.0198	47.8443	-0.549415	0.0283563
COL6A1	19.888	23.5183	0.241889	0.608789
IL12A	1.41429	1.71805	0.280695	0.805672
METTL14	3.02109	2.10021	-0.524538	0.206941
DZANK1	0.224179	0.269108	0.263532	1
DDX50	25.7009	15.5706	-0.722992	0.00337323
MLLT6	15.9818	16.5359	0.0491733	0.977652
BIN2	0.00590738	0.0125704	1.08944	1
PBX2	26.7931	19.6665	-0.446124	0.117923
RGS3	9.23248	8.63801	-0.0960194	0.95534
SPRY4	40.7059	51.278	0.333101	0.344865
PRKCZ	17.0607	14.3932	-0.245294	0.885414
CCR10	22.5584	13.8086	-0.708096	0.0576801
C9orf66	0.326592	0.185821	-0.813574	1
FBXO9	5.61416	7.05716	0.330017	0.3703
SLC44A3	0.843843	0.391558	-1.10775	0.0297125
THAP11	24.4928	45.8885	0.905775	0.371297
PPP1R2	9.50316	8.21403	-0.210317	0.703567
MTF2	5.54095	5.87497	0.0844461	0.952371
C12orf66	0.93475	0.740359	-0.336356	0.723154
RAB4A,SPHAR	8.78267	11.3318	0.367641	0.290771
ANKZF1	38.5366	23.7174	-0.700285	0.00509212
POLR2J2,UPK3BL	44.84	36.9597	-0.278835	0.518637
PAQR4	24.0376	29.0307	0.272285	0.848143
SIPA1	13.0592	11.9714	-0.125472	0.909694
PFKFB3	19.0271	22.1006	0.216033	0.684119
CEP97	0.44393	0.418408	-0.0854223	0.977332
LGR6	0.0318865	0	#NAME?	1
RFIG	62.0174	62.3519	0.0077587	0.997036
LPCAT3	11.047	20.8261	0.914736	0.00134142
RACGAP1	14.2334	12.6691	-0.16797	0.802943
KRT10	16.7361	21.85	0.384667	0.390876
HGF	3.05079	5.405	0.825115	0.0373672
SLC25A30	0.448857	0.778944	0.795265	0.0908564
MXRA8	0.437091	0.215411	-1.02084	0.370833
REV1	2.48386	2.82336	0.184827	0.816012
ZNF235	0.270117	0.271181	0.0056733	1
HP1BP3	24.5387	21.8047	-0.170419	0.794222
PQLC1	37.3699	51.8767	0.473209	0.098844
MOB3C	4.98378	5.63439	0.17702	0.830101
FAM19A3	0.98454	0.461994	-1.09158	0.102329
TBCE	4.66346	3.76799	-0.307606	0.881073
ARFIP2	9.15869	17.81	0.95947	0.00134142
AKT3	1.52252	0.939763	-0.696094	0.0274653
RNU11	29.2332	18.2337	-0.681002	0.748064
ZNF585B	0.830059	0.933738	0.169804	0.882497
PTMS	199.134	318.179	0.6761	0.00743393
DHX32	12.3967	10.6706	-0.216316	0.924371
JHDM1D	1.73534	0.557585	-1.63795	0.00134142
SH2D5	0.392374	0.377702	-0.0549826	0.989365
SLC25A23	32.066	30.3221	-0.0806746	0.951559
NPTXR	0.227387	0.299738	0.398554	1
PARVB	33.7901	31.9672	-0.0800094	0.954559
HMX3	0.636869	0.328221	-0.956328	0.633936
APBB3	6.67952	3.25726	-1.03609	0.00134142
SNORA64	7.99057	5.97037	-0.420478	0.980556
RCAN3	3.01636	1.28599	-1.22993	0.00134142
PLGRKT	11.6666	7.85175	-0.571292	0.126498
CGB5	0.17109	0.155634	-0.136603	1
MTR	1.5827	1.13112	-0.484634	0.148987
ANXA11	63.6135	51.8149	-0.295966	0.437712
GPC2	1.60339	2.3444	0.548095	0.315584
ZNF548	1.45049	0.862834	-0.749385	0.0357572
ZSWIM4	5.58148	2.60689	-1.09832	0.00134142
UBL7	48.5972	42.1813	-0.204272	0.716391
CDK14	0.0121789	0.00195272	-2.64082	1
ZNF654	1.53511	0.993423	-0.627863	0.678263
DOLK	17.2089	22.8749	0.410606	0.876927

NETO2	10.8834	21.9668	1.01319	0.00134142
ARL2BP	32.0845	41.9033	0.385186	0.229414
SHF	4.70265	2.24636	-1.06589	0.00134142
ATP12A	0.0126004	0.00259185	-2.28142	1
PRRG2	0.716429	0.833818	0.218908	0.938194
NOTCH2NL	5.67158	4.61788	-0.29652	0.477566
NCOR1	1.45714	1.32858	-0.133262	0.913628
ZDHHC2	5.89682	4.31845	-0.449423	0.168166
FOXJ2	2.34461	1.8497	-0.342054	0.465173
SP1	7.28016	5.10479	-0.512119	0.0648441
VCCIP1	2.27979	2.14445	-0.088291	0.950929
BNC2	0.757866	0.323901	-1.22639	0.00134142
FAM188B,INMT	0.702007	0.568939	-0.303212	0.805942
MMACHC	2.43434	3.26033	0.421489	0.986822
TBC1D9B	27.1101	26.4433	-0.0359297	0.984917
IFI6	3.96967	4.02205	0.0189093	0.996014
KIAA0895L	5.1033	3.94299	-0.372142	0.675356
CYTH2	17.1928	10.4701	-0.715532	0.00593755
SRCRB4D	0.529463	1.02404	0.951672	0.589726
LTC4S	1.22902	0.979498	-0.3274	0.941621
CHD9	1.658	1.3991	-0.244948	0.649685
EMILIN3	3.33889	2.6609	-0.327452	0.7578
SLC1A6	0.00575317	0.00491065	-0.228442	1
TMEM135	2.22767	1.31112	-0.76474	0.00743393
TAF7	30.6229	37.9616	0.309928	0.401785
TWSG1	7.9188	7.10101	-0.157256	0.834095
XPC	10.2878	7.74615	-0.409382	0.210375
DHX57	2.78872	4.24075	0.604717	0.042771
LOC439994	2.93196	3.43201	0.227186	0.965148
LOC100133612	0.0636644	0.0939054	0.560723	1
ADA	20.2759	14.5487	-0.478871	0.138798
PAXBP1	9.44861	10.7787	0.190012	0.765576
BST1	0.37455	0.483858	0.369424	0.849725
SLC35D3	0.0239548	0.031008	0.372328	1
ZBTB33	3.47311	4.43874	0.353921	0.339736
JAM3	0.684379	1.61545	1.23907	0.00134142
RAB11FIP3	14.4007	18.9031	0.392482	0.227772
PDPR	1.70197	1.65949	-0.0364692	0.987693
FZR1	23.3457	21.4155	-0.124499	0.898626
HCAR2	0.00810234	0.0192042	1.24501	1
CBX7	9.914	6.19908	-0.677413	0.0156972
SRRM3	11.0279	11.5762	0.0700036	0.966946
MOSPD2	0.785432	0.382592	-1.03768	0.0189207
DARS	55.1717	34.3154	-0.685073	0.00425224
N4BP3	4.45442	4.8149	0.112266	0.924371
COPG2,TSGA13	12.5687	8.13459	-0.627689	0.237422
ZNF26	4.07556	4.19804	0.0427165	0.9839
PRR7-AS1	0.613356	0.781493	0.349509	0.986353
GAB1	0.261088	0.218574	-0.256418	1
SIAH1	9.76667	7.25925	-0.428045	0.730561
FAM22D	0.108377	0.130584	0.268921	1
GLI4	28.4787	14.6483	-0.959144	0.00243047
SRPX	12.2047	9.61494	-0.344092	0.419017
LCOR	1.23533	0.678836	-0.863757	0.00672555
PROX1	0.0391797	0.0273984	-0.516013	1
GPAT2	0.0761752	0.0521282	-0.547259	1
UNC13D	0.598345	0.254154	-1.23527	0.0314167
IL20RB	0.18039	0.189927	0.0743276	1
NDRG4	4.29787	2.4377	-0.818102	0.0114515
CYP39A1	0.408417	0.18686	-1.12808	0.0906031
ESCO1	1.88948	1.8514	-0.029377	0.990324
CEP78	4.03069	5.82529	0.531303	0.10531
TBC1D1	15.4084	12.0713	-0.352139	0.342123
EFCAB14	5.86303	7.33856	0.32385	0.37206
KLF13	6.07214	6.19839	0.0296874	0.988019
TBRG1	4.3416	5.63189	0.375394	0.540382
SLC25A37	19.8337	24.4433	0.301483	0.483718
RICTOR	1.44203	0.958138	-0.589799	0.0599768
SLC15A2	0.0199082	0.0112353	-0.825316	1
IDH3G	61.5856	63.7156	0.0490534	0.991767
HID1	17.6909	10.2468	-0.787832	0.00134142
MST1R	4.75195	2.84759	-0.738775	0.0132924
GCC1	6.58854	6.70288	0.0248232	0.990958
PTPN23	6.65888	6.92694	0.0569368	0.976756
RILPL2	28.3461	31.2535	0.140863	0.868469
KRTAP5-1	0.188906	0.158142	-0.25645	1
MAP3K2	1.39701	1.02249	-0.450256	0.193036
LY6K	0.155076	0.145688	-0.0900926	1
CBLN3	0.158476	0.151656	-0.0634618	1

SPRN	2.47417	3.55463	0.522758	0.754197
TMEM25	0.0524027	0.0526643	0.00718504	1
PPFIA1	5.49961	5.42881	-0.0186918	0.99351
RAB15	11.1887	12.4497	0.154067	0.963669
SAV1	13.3342	7.91283	-0.752862	0.00134142
VWA7	0.085934	0.057059	-0.590773	1
DLC1	19.1873	25.0673	0.385656	0.218449
CALML4	1.98958	3.61925	0.863226	0.00425224
GDF11	4.21825	5.73896	0.444143	0.619995
SGK196	0.396614	0.589229	0.571092	0.575728
LOC100134229	4.4071	2.41415	-0.868313	0.0132924
DNPH1	165.022	159.106	-0.0526709	0.977039
ZBTB44	2.66008	2.01285	-0.402233	0.237255
GAREML	7.00129	8.87426	0.342007	0.393638
FAM117A	10.7685	8.08591	-0.413329	0.269877
BTC	0.0240521	0.00738473	-1.70355	1
LOC100505666	0.999492	0.785201	-0.348133	0.981044
PAR6A	15.9093	13.2244	-0.266664	0.694828
TMEM44	14.025	7.984	-0.812812	0.00743393
FOXP1	3.15829	2.45671	-0.362418	0.657112
LOC100527964	1.26873	1.59693	0.331915	0.726571
PAK1	19.1457	12.8505	-0.575198	0.0235476
LRRK1	1.25513	1.42554	0.183667	0.854482
VAMP2	28.3747	15.7723	-0.847208	0.00134142
MDM1	2.13594	2.30191	0.107958	0.950929
COG6	2.63933	1.55931	-0.759262	0.0194494
PDP2	1.97373	3.74458	0.923879	0.00134142
LINC00620	0.0312557	0	#NAME?	1
LOC283922	0.493604	0.540649	0.131337	0.963209
KAAG1	0.550155	0.289476	-0.926395	0.710885
OVOL2	3.42008	4.96189	0.536858	0.266528
GNRH1	0.632246	0.92364	0.546846	0.502917
LOC283403	0.0119863	0	#NAME?	1
HELB	0.315956	0.275734	-0.196447	1
XAB2	29.6668	26.092	-0.185244	0.77409
HERC2P4	0.995329	1.2749	0.357138	0.775809
OLFML3	0.018141	0.0116254	-0.641973	1
NPHP4	2.11133	2.02862	-0.0576514	0.99351
PHC1	3.83157	2.98125	-0.362018	0.928354
PSD	0.884656	0.375947	-1.23459	0.780271
NUDCD3	11.8684	13.1861	0.151885	0.83719
TRMT10A	0.574572	0.774804	0.431342	0.498268
RAB11FIP2	1.32737	1.38882	0.0652899	0.976326
DPH5	17.1051	15.8846	-0.106801	0.923433
DCAF8	12.9329	12.2819	-0.0745104	0.959465
GALNT12	7.36333	4.72509	-0.640018	0.0370005
AKR1A1	122.16	108.603	-0.169714	0.804229
PRELID2	6.52523	2.5957	-1.3299	0.00134142
INPPL1	16.0264	14.0632	-0.188525	0.751417
FLCN	15.8938	8.02161	-0.986497	0.00134142
PLA2G4A	1.43073	0.736902	-0.957204	0.0194494
KCNJ11	5.67905	4.33429	-0.389855	0.37983
SKI	7.90061	10.4983	0.410118	0.220496
GP5M1	45.324	55.2485	0.285661	0.518295
IQCH-AS1	3.09873	4.53203	0.548483	0.954907
TMEM167B	7.76287	6.41634	-0.27484	0.55302
MBNL1-AS1	0.114821	0.124703	0.119111	1
NDUFA2	113.384	145.062	0.355447	0.392645
TIMM8A	9.05752	18.4064	1.02302	0.00243047
ZNF174	3.67363	5.71378	0.637237	0.0868006
RAB1F	3.04159	4.94295	0.700545	0.0235476
TEAD1	4.03027	3.17213	-0.345428	0.320834
CD3EAP	1.91831	5.016	1.3867	0.747687
TNFAIP1	11.5824	11.5286	-0.0067249	0.998514
CHD1	2.68569	4.13095	0.621179	0.0235476
AKR1B1	0.0107316	0.00920335	-0.221638	1
TMEM14C	151.419	117.99	-0.359888	0.280157
FKBP9	9.31085	5.43046	-0.777839	0.00593755
HOXB8	3.14732	5.65217	0.844679	0.0497748
ARVCF	13.9341	8.84785	-0.655218	0.496877
FUT1	3.14407	4.80453	0.611763	0.0626518
C10orf95	1.26465	1.5982	0.337701	0.967901
ZNF25	1.46791	0.65319	-1.16819	0.00134142
UNC5B	1.69786	1.93119	0.185768	0.845125
ZNF556	1.1246	1.98641	0.820755	0.0891066
CORO2A	5.63471	3.92181	-0.52282	0.0637115
SNHG12	26.4885	52.7023	0.992501	0.0390303
RC3H1	1.27292	1.3271	0.060138	0.976618
CCDC159	2.87039	2.08952	-0.458079	0.559828

RSBN1	1.9752	1.86638	-0.081757	0.958814
GLTSCR1L	0.581779	0.396038	-0.554831	0.289884
LDHA	940.22	884.905	-0.0874748	0.954768
WDR62	6.54336	8.02288	0.294089	0.500126
TOP3B	7.40505	8.00952	0.113208	0.926446
SEC14L2	7.55855	6.183	-0.289803	0.54641
C12orf49	6.16565	7.84725	0.347934	0.391936
SDCBP	71.5103	62.9208	-0.184614	0.762867
GLTSCR1	2.38005	2.98317	0.325857	0.600983
ZNF557	1.80451	1.7072	-0.0799816	0.963669
UQCRC2	86.4006	69.0667	-0.32305	0.360044
COX7C	1154.72	1218.36	0.0773971	0.95534
FAM153C	0.0139685	0.0221978	0.668241	1
TSTD3	0.804997	0.56619	-0.507697	0.50623
USP19	8.55645	9.02131	0.0763249	0.958814
TMOD3	3.89829	3.35845	-0.215046	0.729849
CDC42EP3	1.96856	2.19702	0.158412	0.873144
WDR55	15.7643	24.0004	0.606395	0.0447795
GAS2L1	15.5735	18.9093	0.280002	0.572126
EEF1A2	0.0308097	0	#NAME?	1
OAZ3	3.17187	3.56812	0.16983	0.986822
SEC14L5	0.00255399	0.0038124	0.577946	1
FRAT2	13.8098	18.7111	0.438205	0.202966
LOC100506668	3.78283	5.88768	0.638232	0.925516
UTS2	4.98327	3.41732	-0.544227	0.375498
CARKD	21.5372	26.5756	0.303266	0.445688
SETD6	4.06058	6.16028	0.601311	0.807024
GRIK5	0.316684	0.243484	-0.379216	1
PABPC1L	5.46263	4.03197	-0.43811	0.360993
ANAPC10	6.09971	6.16317	0.0149324	0.997532
TMPRSS9	0.0323947	0.0468703	0.532918	1
FAM179B	0.6307	0.663749	0.0736824	0.976756
DZIP3	0.958388	0.327433	-1.54941	0.117699
C1orf226	1.57809	1.54468	-0.0308729	0.991305
ANGPTL6	3.3727	4.99212	0.565747	0.653383
TG	0.00184332	0.00315979	0.777517	1
INHBC	0.0169452	0.0319725	0.915957	1
AES	188.055	197.353	0.0696202	0.961224
CCDC50	7.56209	3.66177	-1.04624	0.00134142
CEP170	0.00162856	0	#NAME?	1
GIT1	38.9105	37.3804	-0.0578769	0.970729
GGA3	10.9897	11.0516	0.00809821	0.997535
PMS2P1	10.6856	8.12179	-0.395798	0.890666
ANKLE1	0.415074	0.741909	0.837874	0.166117
SLC30A9	13.4547	9.5092	-0.500717	0.0844105
TBC1D22B	3.76379	2.92029	-0.366073	0.425716
KCNC1	0.00637256	0.00458971	-0.473469	1
RAVER2	4.63829	5.02511	0.115562	0.973723
SBF1	8.73127	12.8792	0.560777	0.183567
ARRDC2	15.1622	19.9951	0.399166	0.236474
BTN3A2	6.56966	5.22837	-0.329458	0.448465
HSPB9	0.0943469	0.440398	2.22276	0.430215
SCRN2	42.8388	31.5676	-0.440476	0.148094
TMEM133	0.582569	0.531706	-0.131801	0.960763
NDUFB5	62.0515	43.5994	-0.509156	0.064193
USP40	2.9744	2.46022	-0.273812	0.615468
KIF3A	1.53871	2.07233	0.429528	0.241449
DEDD2	36.6329	66.1041	0.851598	0.00243047
DENND1A	12.5177	8.5274	-0.553792	0.0662578
TULP4	1.3647	1.9449	0.511113	0.128873
ZNF837	1.97776	0.814842	-1.27928	0.0451064
ZNF271	3.22232	4.84456	0.588266	0.0394523
MMP14	13.465	11.3217	-0.250124	0.611988
DUSP4	0.515144	0.507455	-0.0216948	0.994615
TMEM200B	6.23584	7.17863	0.203125	0.921047
CDK3,TEN1	36.8273	48.9847	0.411555	0.532823
MIDN	13.3554	16.3437	0.291305	0.509535
CES3	5.50164	3.72774	-0.561558	0.102638
FAM89B	32.8708	73.866	1.16811	0.00134142
RUFY3	1.59255	2.36925	0.573089	0.0995023
SREBF1	22.238	29.6858	0.416745	0.25146
MYADML2	0.0819708	0.0630405	-0.378832	1
IQGAP3	8.73568	4.41625	-0.984098	0.00134142
RLF	3.67304	2.89815	-0.341843	0.396027
RASSF7	35.5575	51.3927	0.531409	0.064193
LDB1	17.6221	18.1943	0.0461006	0.979875
RNF214	3.07308	1.52184	-1.01387	0.108219
C9orf114	31.3817	51.5191	0.715182	0.00425224
MINK1	17.6365	16.8505	-0.0657728	0.967901

RNF44	9.00513	6.40383	-0.491812	0.117401
RAB9A	7.44882	7.54586	0.0186734	0.99451
DUS4L	4.89101	1.97702	-1.3068	0.293988
QPCTL	16.8064	13.3646	-0.330594	0.411727
ZBTB11	1.68947	2.92317	0.790964	0.0183825
TRAPPC2	10.421	10.2899	-0.0182634	0.99351
BIRC5	40.2348	64.5709	0.682442	0.00337323
DGKB	0.00173032	0.00102526	-0.755048	1
RNASEH2C	21.0217	30.9373	0.557466	0.092295
TOP2A	10.0189	8.9822	-0.157584	0.825896
ZNF587	1.2395	1.38009	0.15501	0.88576
SUOX	5.35848	5.98829	0.160318	0.874344
ARHGEF9	1.93656	1.31944	-0.55357	0.142344
NLRP12	0.00597506	0.00731021	0.290959	1
ST6GAL2	0.00199927	0.0183564	3.19874	1
ZNF512	4.04835	6.71276	0.729572	0.009453
SLFN5	1.01212	0.273053	-1.89012	0.00134142
CSF1	2.9005	4.72745	0.704762	0.030994
ZBTB40	2.20008	2.96813	0.431996	0.189199
VEGFA	22.7009	14.3513	-0.661576	0.009453
ABI3BP	0.0240819	0.0456447	0.922498	1
NFATC3	3.8439	6.13882	0.675389	0.169417
LOC441454	0.255147	0.365159	0.517196	0.73058
FHL3	33.9603	33.7943	-0.00707032	0.997036
LOC642361	1.9489	2.45307	0.331928	0.767826
PIP4K2B	6.96026	10.0827	0.53467	0.0551188
SNHG11	12.9519	9.96075	-0.378841	0.421895
C12orf5	2.431	4.1837	0.783231	0.00425224
TMBIM4	28.5669	19.7441	-0.53292	0.0554961
SLC27A5	18.325	21.4812	0.229259	0.679631
SERPINB1	53.7914	28.7348	-0.904577	0.00134142
NKX3-1	3.1964	5.4589	0.772162	0.010797
ARL8A	24.3942	26.1162	0.098404	0.935187
HDLBP	27.8855	27.3652	-0.027175	0.99351
GSTK1	124.886	113.979	-0.13184	0.877493
ZNF443	1.38356	1.97794	0.515612	0.255138
AEBP2	1.63615	1.74142	0.0899582	0.958814
RABGAP1	4.00606	3.73504	-0.101058	0.93616
PIK3C2B	1.43277	0.898998	-0.672421	0.0634431
ZBED5	9.37521	8.50903	-0.139856	0.876899
MTHFD2L	0.783434	0.637641	-0.297067	0.781956
LOC100506714	1.35904	1.39832	0.0411046	0.991459
MTERFD2	8.36542	9.99269	0.256434	0.721145
SRSF11	29.3466	32.7213	0.157037	0.820633
ARHGEF39	6.53598	6.40334	-0.0295773	0.991305
LOC541473	0.556877	0.892813	0.681001	0.568186
ZNF124	1.95929	2.18019	0.15412	0.922247
LOC730183	2.36897	3.61106	0.60816	0.579257
PLCD3	17.5898	19.6037	0.156388	0.836262
C16orf58	40.5499	25.6437	-0.661095	0.00818401
LRRRC61	41.8526	77.2373	0.88398	0.00425224
NUDT8	41.768	45.3103	0.117441	0.923867
RBFA	5.06183	6.34655	0.326311	0.397842
CBFA2T3	1.80779	2.40377	0.41107	0.471178
KCNQ1	10.5677	5.12565	-1.04385	0.030165
ZFYVE1	6.92651	4.82669	-0.521095	0.14176
CHN2	0.500921	0.140116	-1.83796	0.00134142
LIG4	0.869042	1.58989	0.871429	0.010797
TMEM67	1.23982	0.730781	-0.762622	0.036221
SSH1	5.55709	5.74297	0.0474688	0.979701
COA5	9.17939	7.768	-0.240856	0.680566
TAF9B	8.2684	5.40241	-0.614005	0.0297125
NCKIPSD	22.0275	14.477	-0.605547	0.0278845
LOC100130776	69.2791	66.9157	-0.0500767	0.978196
FAM86EP	0.660189	0.667513	0.0159167	0.996453
TMEM129	23.5668	21.5121	-0.131606	0.885624
CUL5	1.97528	2.19808	0.154182	0.870466
FBXO48	0.143858	0.119298	-0.270067	1
TPCN1	5.06311	7.17159	0.50227	0.0941664
MLLT3	3.58968	1.25104	-1.52072	0.00134142
CAMLG	49.5728	25.2514	-0.973184	0.00134142
BAG4	3.72917	4.56481	0.2917	0.817471
RBP5	0.181402	0.175116	-0.0508789	1
EIF2D	27.078	19.8426	-0.448518	0.123328
GSDMA	0.00766592	0	#NAME?	1
LOC389641	4.67783	2.67886	-0.804219	0.0292254
CHAMP1	4.63673	4.09115	-0.1806	0.817127
ZNF468	2.21147	1.98469	-0.156092	0.883938
RGS10	142.617	118.722	-0.264567	0.539577

ZSCAN2	6.19444	4.43822	-0.480994	0.486422
HEATR5B	1.77664	1.33398	-0.413409	0.320489
PTPRK	1.37282	0.899459	-0.610018	0.0972878
NPIP	45.7899	50.7687	0.148911	0.850392
LOC100505715	0.16032	0.228943	0.51403	1
SRPK3	0.0246931	0.0106996	-1.20654	1
UHRF2	5.57131	5.49409	-0.020135	0.992797
ATAD2B	0.339385	0.297292	-0.191044	1
ZNF212	8.4545	6.53363	-0.371835	0.345217
ZNF853	0.0717795	0.155969	1.11961	1
FOXJ3	8.10814	7.59985	-0.0934013	0.937845
ARHGEF11	2.64625	2.68861	0.0229097	0.992797
SQRDL	10.489	6.52901	-0.683943	0.0235476
STARD4	1.65944	1.22017	-0.443619	0.466443
DYNC112	12.0695	10.9829	-0.136104	0.870747
ZNF639	9.11728	9.74098	0.0954628	0.93549
ARHGEF26	0.146845	0.119536	-0.296846	1
MYO18A,TIAF1	9.51652	8.96785	-0.0856728	0.962618
LOC728989	0.0166098	0.0141519	-0.231044	1
ZNF480	1.36616	1.48577	0.121078	0.928172
TMEM231	9.96677	5.7347	-0.797407	0.00743393
JUND	127.576	106.072	-0.266317	0.525686
TPRG1L	16.2833	26.1919	0.685726	0.00337323
FAM209B	0.805434	1.07469	0.416077	0.815099
FAM122C	0.437286	0.205956	-1.08624	0.784181
ZNF7	15.4848	12.7204	-0.283713	0.518637
OLA1	43.6275	32.7501	-0.413737	0.165928
MKL1	4.42786	5.77056	0.382102	0.678791
ZNF561	4.248	4.80093	0.176529	0.81082
KIAA1522	12.6386	9.14308	-0.467079	0.152899
ZBTB8A	1.58354	1.26764	-0.321004	0.509535
EXD2	4.2917	3.69268	-0.216882	0.725752
PRKACA	18.3485	20.6686	0.171777	0.808994
MPPE1	8.51158	6.18632	-0.460344	0.722205
ZNF204P	1.67128	0.996281	-0.746328	0.061906
SPAG7	36.1481	39.4995	0.127913	0.893663
LGALS3BP	38.3434	32.3875	-0.243542	0.602148
TOMM20	57.011	54.9812	-0.0523019	0.976618
CDC42EP4	8.49081	8.12243	-0.0639913	0.972176
P2RX4	12.3778	6.34637	-0.96375	0.00243047
TUBA4A	82.2926	180.899	1.13635	0.00134142
C7orf60	3.29903	2.71787	-0.279569	0.603292
ZSCAN32	4.11747	6.38636	0.633237	0.0373672
C22orf29,GNB1L	13.3437	24.0866	0.852074	0.064193
LOC728730	0.405618	0.110502	-1.87605	0.0126858
QTRT1	48.1104	59.367	0.303313	0.448101
ZNF232	9.30667	18.1036	0.959936	0.00134142
MT1IP	0.00986366	0.0239054	1.27714	1
ITCH	3.9909	3.25066	-0.29598	0.483389
PIF1	5.82218	8.83084	0.600991	0.0637115
AP2A2	11.664	13.6276	0.224466	0.656082
NAA16	2.48644	4.11573	0.727065	0.0120701
CMTM2	0.136987	0.445532	1.70149	0.227772
PRSS12	1.55409	0.893806	-0.798034	0.0283563
SH3GLB2	131.46	108.365	-0.278722	0.506512
RAB8B	4.82093	3.53405	-0.447986	0.168676
INTS1	17.0052	20.7258	0.285451	0.481015
LIMS2	0.0274531	0.011412	-1.26643	1
HM13-AS1	0.326622	0.133714	-1.28847	1
UNG	27.8575	42.4026	0.60609	0.0172978
SNHG8	314.375	291.46	-0.10919	0.932468
ZNHIT3	74.7113	71.6305	-0.0607534	0.979701
RPP38	25.4946	33.879	0.4102	0.217352
RBM48	6.61913	6.08695	-0.120922	0.923433
MZT2A	338.137	378.573	0.162964	0.860953
FBXO34	4.38135	3.72175	-0.235396	0.698337
SCO2,TYMP	64.8275	118.16	0.866067	0.0314167
MCOLN2	5.43974	7.26586	0.417595	0.241449
FOXO1	1.07644	1.33542	0.311026	0.621429
ISCA2	30.0535	24.3462	-0.303835	0.461203
ZNF280D	2.99679	2.06264	-0.538928	0.211048
MCCC1	13.6633	8.29609	-0.719799	0.00593755
PARD6G	2.48381	2.46923	-0.00849379	0.997036
INTS5	11.7302	15.6481	0.415761	0.209943
TNKS1BP1	10.1928	10.1131	-0.0113192	0.995709
VIPAS39	4.60081	2.81387	-0.709332	0.0340561
PTPN18	14.4343	11.0347	-0.38745	0.24199
ARHGAP27	3.39954	3.08217	-0.141392	0.964222
NPDC1	236.264	268.669	0.185428	0.764178

LOC257396	1.1313	0.945478	-0.258861	0.828054
VPS28	292	280.441	-0.0582701	0.972228
PIIP5K1	4.07871	3.26663	-0.32031	0.810878
CYP21A2	0.033995	0.0314531	-0.112117	1
TNRC6C	0.464436	0.488613	0.0732146	0.98038
CAPG	126.952	111.093	-0.192513	0.739871
PUM2	11.2576	11.1433	-0.0147265	0.994269
SOGA2	3.33027	4.38784	0.397873	0.282566
WDR85	32.748	54.9248	0.746048	0.00337323
PCGF1	17.1906	16.1236	-0.0924504	0.974478
ZNF358	51.3063	31.4558	-0.705812	0.00882987
KIAA1468	1.95612	1.87011	-0.0648672	0.973723
DHTKD1	3.3199	1.67177	-0.989762	0.00134142
DHX29	3.0307	4.39283	0.5355	0.0694871
ULK3	22.8854	27.0455	0.24096	0.621063
SLC25A4	15.329	18.1139	0.240833	0.602446
CTSB	48.0239	44.3892	-0.113542	0.907929
VPS33B	7.41313	5.53904	-0.420446	0.262818
TRIB2	1.00465	0.942746	-0.0917527	0.972601
TROAP	43.4982	65.0789	0.581234	0.129875
UBE2D4	3.2817	4.48952	0.452118	0.284624
ZNF75D	1.22205	1.54065	0.334234	0.622998
ELL2	3.868	2.42834	-0.67162	0.0162707
ZNF132	0.176871	0.403372	1.18942	0.0601893
UXT	124.63	139.011	0.15755	0.829023
MED18	11.2889	12.3092	0.124837	0.908586
SEMA4B	14.2345	15.9054	0.160125	0.832742
GORASP1	6.75473	8.30552	0.298174	0.506591
MMS19	22.2107	16.9236	-0.39222	0.217848
BTAF1	3.10969	2.62662	-0.243564	0.638558
PGPEP1	6.83605	3.95932	-0.787912	0.00134142
OTUD7B	2.25328	2.43033	0.109123	0.931471
FAM193A	3.83842	3.43854	-0.158718	0.86601
XPA	7.75851	10.2251	0.398265	0.301125
FAM57A	25.6336	26.9333	0.0713543	0.961224
ZNF285	0.0128605	0.0270286	1.07154	1
USE1	36.013	31.0406	-0.214363	0.739331
ALS2CR8	0.100409	0.0520197	-0.948762	1
ATG2B	1.03833	0.900281	-0.205821	0.787261
USP48	7.56254	7.23876	-0.0631283	0.969987
C3orf45	0.0123846	0.0637526	2.36394	1
TSPYL4	2.69774	4.07168	0.593872	0.0668932
PKP3	41.5838	32.0792	-0.374385	0.258219
ELAVL3	0.00417313	0.00962697	1.20595	1
ORM1	0.021449	0	#NAME?	1
ETFB	87.2026	81.9266	-0.0900397	0.944538
ZNF506	2.03519	1.528	-0.413517	0.374906
CATSPER2	0.596025	0.292132	-1.02875	0.135065
C2orf68	3.85532	2.54712	-0.597985	0.684119
TSC2	9.45704	9.8303	0.0558471	0.982412
AP1S2	13.199	13.408	0.0226709	0.991614
LCORL	2.97589	2.61854	-0.184557	0.933023
MTUS2-AS1	0.0435715	0.0766064	0.814079	1
MRPL17	45.2991	45.3602	0.00194496	0.99862
BBS4	5.30906	3.05082	-0.799258	0.0101293
LEPR.LEPROT	7.60042	7.04896	-0.108668	0.979701
PHF2	4.37787	4.01908	-0.123366	0.91236
CSTB	248.895	302.002	0.279023	0.480572
CD46	8.12394	7.50198	-0.114909	0.913236
MFAP4	0.0415933	0.167659	2.01111	1
ZNF385C	0.00699004	0.0189241	1.43685	1
HOOK3	0.98069	1.13029	0.204827	0.761904
NPEPPS	14.3945	15.2959	0.0876264	0.944828
GSTM4	14.926	10.0643	-0.56858	0.0715857
TUBA1A	40.5251	52.1183	0.362973	0.275042
CLDN4	0.183929	0.244794	0.412418	1
RILPL1	9.16494	10.3663	0.177698	0.814573
TRIM3	3.66368	6.3051	0.783226	0.0162707
PLEKHA2	10.1501	5.04513	-1.00853	0.00134142
STX5	29.0856	20.9415	-0.473937	0.111788
CDH12	0.0403488	0.0398737	-0.0170896	1
PDK2	18.0963	14.3663	-0.333004	0.520342
SLC22A18AS	0.387771	0.226253	-0.777267	0.900727
MPST	148.181	148.789	0.00590283	0.997532
CWF19L2	1.56067	1.57217	0.0105977	0.997036
LRRCC1	1.63698	1.34417	-0.284324	0.666069
SEPT9	39.1509	42.9822	0.134692	0.872604
PCNP	40.6439	36.405	-0.158903	0.820463
SKIV2L	7.28448	6.86683	-0.0851821	0.984917

LRRC37A2	0.199357	0.136131	-0.550361	1
DDR1	9.52181	12.02	0.336132	0.389881
MFAP2	0.379672	0.0940234	-2.01366	1
KIF1C	19.4808	31.6456	0.699955	0.00425224
CCND2	20.6431	26.4685	0.358612	0.26939
PSKH1	6.68181	7.4588	0.158705	0.86827
TSPAN6	16.4023	14.6843	-0.159619	0.832265
NFYA	3.577	4.78525	0.419844	0.215563
EPB41L1	4.73322	3.49588	-0.437166	0.194581
C17orf103	4.12253	2.74856	-0.584854	0.0749663
TRAK1	3.78351	3.37766	-0.1637	0.851815
FAM214B	3.86945	2.60987	-0.568154	0.143392
PARP11	1.0625	0.469219	-1.17912	0.00243047
VPS13C	0.946196	0.605369	-0.644324	0.0403066
TIGD4	0.142006	0.0779856	-0.864668	1
SMC5	2.96704	3.41204	0.201613	0.74929
SELO	22.8062	33.779	0.566698	0.0559179
FAM108B1	4.08745	5.35089	0.388578	0.313957
RAB31L1	5.77073	6.80857	0.238598	0.748391
TTC9C	21.7058	18.825	-0.205435	0.769228
SBF2-AS1	2.21633	0.844687	-1.39169	0.0414844
HERC4	5.35753	4.58751	-0.223855	0.686818
PEX11B	11.4815	11.7543	0.033882	0.987858
TGFBR3	0.363595	0.397218	0.1276	0.953215
OSBPL9	14.5043	10.5248	-0.462684	0.528722
ZFYVE19	21.4266	16.82	-0.349223	0.563967
PSMB10	46.1576	70.5886	0.612867	0.0250278
SLC22A23	1.58398	1.91054	0.270426	0.690184
C3orf70	0.00237247	0	#NAME?	1
PAPD4	5.41556	4.095	-0.403246	0.261549
ATP13A2	19.0255	29.4006	0.627909	0.0172978
ELMOD1	0.00489492	0	#NAME?	1
C2orf48	1.92048	0.975062	-0.977899	0.160099
ABAT	1.42604	1.26708	-0.170502	0.885093
NAV1	1.28503	1.36021	0.0820241	0.958568
RAP2C	5.85293	6.54366	0.160938	0.838386
RPS6KA1	21.4152	31.2738	0.546316	0.0377654
KLHDC8B	8.27076	8.56645	0.0506771	0.979701
RMDN2	0.259483	0.499006	0.943418	0.170338
DYM	8.89324	4.92821	-0.851646	0.00134142
ILVBL	37.9093	35.9437	-0.0768134	0.95534
PCM1	4.76114	3.17469	-0.584692	0.0227017
LOC389906	19.3986	22.5298	0.215879	0.715731
CIT	3.93312	1.98632	-0.985578	0.00243047
TBC1D13	19.2433	23.8966	0.312444	0.389384
ZNF345	0.523783	0.372948	-0.489994	0.899094
FBXL15	11.3201	14.9595	0.402181	0.315903
B3GNT9	7.24718	10.7297	0.566115	0.285855
UBTF	16.7718	25.4427	0.601214	0.0178668
ZNF90	0.00300747	0	#NAME?	1
KIAA1731	0.722173	0.661271	-0.127102	0.938843
TENC1	0.705727	0.33281	-1.08441	0.921843
FLJ42709	0.4912	0.169686	-1.53344	0.133781
LOC100505876	10.03	7.9393	-0.337241	0.671358
MRS2P2	0.00959948	0.0298116	1.63484	1
N6AMT1	2.77979	3.45855	0.315188	0.714446
TRIM2	1.88954	1.4746	-0.357703	0.407592
UCKL1	29.5282	33.4003	0.177769	0.79103
ZNF583	0.841763	0.963957	0.195555	0.893663
TNIP1	65.7546	44.2752	-0.570593	0.0306129
CXorf40B	14.7979	19.6139	0.406489	0.262729
EGF	0.00238061	0	#NAME?	1
NENF	135.78	145.748	0.102208	0.923575
CAMKK2	9.2628	13.6182	0.55601	0.0444101
FLJ42627	1.99868	1.57692	-0.341943	0.465173
SMG7-AS1	0.0422839	0.0908632	1.10359	1
FAM173A	70.3685	144.61	1.03916	0.00134142
FAM109A	7.74681	12.5299	0.693696	0.0150729
PEAK1	1.15745	0.932618	-0.311587	0.510424
MF12	33.4475	35.2039	0.0738371	0.958814
NRARP	40.7404	68.4423	0.748427	0.00425224
CHP1	41.8765	37.7405	-0.150029	0.833863
PTEN	7.8521	4.37703	-0.843127	0.00134142
PKN1	104.084	74.0598	-0.490986	0.0645318
USP32P1	0.165324	0.188429	0.188727	1
RNF111	2.16152	2.03081	-0.0899936	0.954559
PIP5KL1	13.7974	20.1595	0.547056	0.160581
HERC1	0.612994	0.540512	-0.181548	0.844123
RHOBTB3	6.32666	3.59389	-0.815898	0.00134142

POT1	3.13531	1.46745	-1.0953	0.00134142
GSN	30.4162	23.2256	-0.389125	0.229923
TMEM201	8.74607	18.1819	1.0558	0.00134142
NPHP1	1.003	0.642514	-0.642519	0.234962
HEY1	2.55661	2.05485	-0.3152	0.677027
SLC17A9	20.2478	34.1126	0.752539	0.00509212
IL17RD	1.15408	0.858461	-0.426914	0.298586
NSA2	147.526	149.058	0.0149029	0.995965
GID8	14.5005	12.4412	-0.220984	0.661219
HOXA10,HOXA9	27.0727	40.5687	0.583526	0.030994
ANKRD6	0.0421956	0.0375786	-0.16718	1
MNT	5.57329	4.32871	-0.364591	0.3703
MTMR10	2.00423	1.86215	-0.106083	0.967901
RAB5B	10.1255	11.3332	0.162559	0.826634
RPS6KA2	0.299186	0.18108	-0.724418	1
ZCCHC7	8.80397	5.63858	-0.642823	0.0217078
CDC16	24.976	23.655	-0.0783965	0.953243
ZFYVE21	25.5988	29.595	0.209277	0.713204
QTRTD1	5.27668	7.21498	0.451367	0.141232
TMEM203	62.4949	100.188	0.680901	0.00743393
LOC100996307	0.215519	0.133227	-0.693927	1
GNAI2	59.7692	58.1652	-0.0392454	0.981044
SPAG5-AS1	0.462628	0.164307	-1.49346	0.869898
MAP4K3	2.76886	2.31681	-0.257155	0.650075
NCAPD2	30.5659	18.4573	-0.727733	0.00134142
PAAF1	13.917	6.77737	-1.03805	0.452642
GPR155	0.290778	0.28734	-0.0171557	1
TMEM161B-AS1	1.77332	1.61243	-0.137212	0.965328
ASTL	0.0372461	0.0114775	-1.69828	1
ZNF143	4.12119	3.75123	-0.135697	0.905695
DLG5	4.48736	5.79531	0.369021	0.293234
CTAGE4	0.263564	0.207122	-0.347673	1
F12	31.7928	34.9605	0.137026	0.877493
FAM86C1	2.71123	2.74242	0.0165003	0.995957
HSBP1L1	76.6145	60.5494	-0.339505	0.353362
CD59	15.8422	18.8273	0.249054	0.59771
SOCS4	2.31461	3.12336	0.432331	0.209562
FAM71E1	4.15517	3.05702	-0.442782	0.967901
CHRNA3	0.164907	0.388699	1.237	0.906895
CDKN3	36.8957	30.8489	-0.258231	0.613686
SHISA4	10.7941	9.70333	-0.153698	0.889711
SSH2	0.796054	0.870358	0.128742	0.922312
ZNF260	2.11308	2.26141	0.0978721	0.945946
CASC3	24.0819	18.1013	-0.411855	0.164179
ZNF771	11.7649	8.7122	-0.433383	0.464784
PHF8	7.00438	8.08402	0.206816	0.71659
SPG21	75.1953	67.7685	-0.150027	0.845125
PITX1	29.6446	49.4952	0.739519	0.00337323
GTF3C4	5.52067	6.92833	0.327664	0.773681
E2F5	8.01414	6.8446	-0.227583	0.965607
CEP120	3.05865	1.93349	-0.661689	0.0231741
C20orf111	26.6742	13.6948	-0.961818	0.00134142
RNF135	6.57212	4.77671	-0.460341	0.272094
CEP85L	0.459974	0.426672	-0.108422	0.969987
PAK2	10.6338	11.49	0.111715	0.912153
CYHR1	65.5639	62.982	-0.0579608	0.974044
LOC100507003	0.0109985	0.0281041	1.35347	1
ORC4	4.35915	4.19933	-0.0538895	0.977358
IFT172	1.81501	0.836705	-1.11719	0.00134142
MAP2K5	11.8056	4.41099	-1.4203	0.00134142
C8orf37	0.612138	0.438722	-0.48055	0.499286
FN3K	33.0172	22.0474	-0.582608	0.0559179
FAM219A	9.4767	8.2632	-0.197684	0.760181
PEX11A	2.71705	2.40986	-0.173088	0.870466
ZSCAN29	3.12926	3.77764	0.271663	0.580834
ZSCAN20	0.356621	0.247755	-0.525475	0.498374
SLC25A3	431.452	472.613	0.131458	0.888528
NOA1	37.0737	19.7352	-0.909623	0.00134142
POGLUT1	2.98173	3.82223	0.358264	0.397842
ELP4	9.69227	5.92308	-0.710487	0.0217078
BGLAP,PMF1,PMF1-BGLAF	45.3157	49.7534	0.134784	0.887208
SERGEF	19.6549	18.4953	-0.0877341	0.950929
UBTD1	33.3697	45.1729	0.436918	0.169417
FBXO41	5.79125	5.71502	-0.0191159	0.993379
ZNF441	0.415009	0.306721	-0.436217	0.540243
C4orf48	53.4646	77.2674	0.531277	0.203854
RPS24	3353.09	3508.49	0.065359	0.96955
FCHSD1	11.2691	8.78498	-0.359254	0.40453
SGSM1	0.763873	0.28004	-1.4477	0.00134142

ZNF551	0.758952	0.65748	-0.207063	0.87816
C1orf51	0.66553	0.790714	0.248653	0.894626
HARS2	9.13619	8.94791	-0.030043	0.995302
STEAP1B	0.0111888	0.0143001	0.353971	1
KCNT1	0.0148405	0.0078783	-0.913587	1
ZNF286B	2.44794	3.01925	0.302622	0.521183
MTMR7	0.895956	1.03649	0.210212	0.931471
RAB11FIP1	4.15627	3.95605	-0.0712289	0.962215
ZSCAN22	1.13326	1.78621	0.656424	0.0860016
NISCH	15.8683	16.4608	0.0528857	0.977103
ARHGAP5	2.32992	1.93778	-0.265879	0.572114
BLVRA	43.3424	56.3658	0.379039	0.24791
RWDD2B	8.22055	6.48909	-0.341218	0.457989
FLOT1	102.546	76.2757	-0.426973	0.147583
CC2D1B	4.48415	5.75171	0.359155	0.315903
TSEN34	53.8195	61.9496	0.202966	0.709838
SYP	0.287469	0.383128	0.414419	0.781725
ZNF629	5.98881	8.23183	0.458943	0.124933
NSL1	0.863614	0.957175	0.148396	0.876899
GNG7	1.34642	0.97958	-0.458894	0.44885
PKN2	3.77616	3.19325	-0.241897	0.648914
APPL2	4.04654	3.30596	-0.291622	0.585481
NFIB	2.64453	2.53807	-0.0592787	0.972228
H19,MIR675	1.85395	1.41377	-0.391048	0.748378
PDE11A	0.0793699	0.0403166	-0.977218	1
SLC22A5	2.75746	4.46422	0.695065	0.0410573
PEX10	19.595	25.6108	0.386268	0.792073
ENHO	16.029	15.0987	-0.0862668	0.961224
SREK1	3.47569	3.93646	0.1796	0.795772
HOTAIRM1	14.9234	16.7438	0.166059	0.86583
TMEM236	0.0427695	0.0171121	-1.32156	1
EFCAB4B	1.2248	1.96467	0.681748	0.12699
DNM2	39.1507	42.1918	0.107923	0.917325
RPS26P11	1.21597	1.61345	0.408042	0.81526
TLE4	0.551798	0.369129	-0.580015	0.325034
UCN2	0.0754992	0.182629	1.27438	1
TIGD2	3.01806	2.61942	-0.204375	0.823379
PRKD3	2.21833	2.05827	-0.108042	0.935062
KPNA1	5.39702	8.33982	0.627853	0.0114515
FAM98C	45.4569	29.2473	-0.636194	0.0235476
OTUD4	3.62946	4.72398	0.380247	0.27191
RPUSD2	16.2911	26.818	0.719116	0.00672555
NR6A1	0.758585	0.96286	0.344015	0.761862
METRNL	55.6978	63.7225	0.194183	0.754666
KIAA0226	3.1269	4.17813	0.418124	0.640881
ARAF	20.9265	22.6888	0.116646	0.986812
SPI1	0.0427315	0.142453	1.73712	1
AKAP11	1.7299	1.52722	-0.179776	0.807864
IFITM1	1.12937	1.48655	0.396454	0.791887
SPC24	9.09108	5.7099	-0.670984	0.178496
SIAH2	15.7267	20.3318	0.370521	0.2815
VCX3B	0.0142097	0.00920997	-0.625605	1
CACNA2D1	0.1927	0.0458352	-2.07183	1
YPEL2	1.21666	0.587505	-1.05026	0.00818401
HLA-E	139.573	115.241	-0.276363	0.507723
NACA	1100.83	1176.21	0.0955496	0.938123
AIP	60.4328	57.0568	-0.0829343	0.948179
CCDC69	3.96139	4.08677	0.0449573	0.983952
IRF5	23.3586	17.4797	-0.418276	0.183686
TMEM150A	10.2156	20.6137	1.01282	0.00134142
AIF1L	40.5246	54.2212	0.420059	0.165549
PTTG1	193.478	216.615	0.162962	0.816305
SNX14	10.5929	9.068	-0.22424	0.657414
TCF3	28.5214	35.1381	0.300994	0.430326
TMC6	26.2088	19.992	-0.390628	0.24631
MAP3K1	0.797137	0.467123	-0.771024	0.0501327
LOC642366	0.0268419	0.0481281	0.842392	1
NR2F2	2.84113	4.27132	0.588217	0.0626518
CDK19	1.62403	0.728346	-1.15688	0.00134142
UHRF1BP1L	1.37518	1.00402	-0.453833	0.414341
RALGAPB	3.25211	3.31523	0.0277301	0.989344
FBXL20	2.29195	1.0312	-1.15225	0.00134142
GALNT4,POC1B,POC1B-G	5.20133	3.20699	-0.69766	0.0114515
BTF3	815.842	860.569	0.0770019	0.956373
GYG1	31.0277	27.5301	-0.172548	0.799255
DNAH12	0.010301	0.00150816	-2.77192	1
C1orf123	26.1833	19.6514	-0.414015	0.431201
RDH12	0.0297501	0.00804909	-1.88599	1
ESYT2	7.60403	6.2741	-0.277355	0.514922

SYDE2	1.38339	0.621377	-1.15467	0.00134142
NAGS	5.62945	5.47678	-0.039664	0.988667
SNHG1	156.825	158.287	0.0133856	0.994615
SHPRH	0.618057	0.857631	0.472617	0.757853
LAMTOR4	297.414	348.905	0.230359	0.623055
ELL	11.1738	10.8326	-0.0447325	0.980556
TMEM59	70.6861	49.622	-0.510447	0.0608269
LDOC1L	5.96348	6.64607	0.156347	0.845726
TLN1	15.8392	14.5215	-0.125304	0.944843
ZNF628	4.70904	4.7219	0.00393491	0.998514
C1orf198	8.03009	13.6964	0.770312	0.00243047
TTLL13	0.161969	0.0471159	-1.78143	1
PYROXD2	0.0475442	0.0391294	-0.281016	1
RPP25L	72.663	49.0369	-0.567354	0.0419471
UBE2L6	26.6318	22.2058	-0.262211	0.581651
STXBP2	59.2106	42.2866	-0.485658	0.0875912
TBXA2R	3.15979	2.78004	-0.184723	0.897371
CECR2	0.0384177	0.0296142	-0.375484	1
PRRT3	1.21554	0.901462	-0.431259	0.719177
SDHAP3	3.65834	3.52189	-0.054837	0.985921
CHKA	23.1558	24.6499	0.0902072	0.945602
ATP1A3	8.70374	8.89722	0.0317193	0.988154
CFD	22.2324	15.8119	-0.491655	0.229068
P2RY1	0.100895	0.141134	0.484209	1
EMILIN1	0.196522	0.290744	0.565055	1
TRMT11	6.75489	8.09687	0.261431	0.63426
IGF2BP2	27.7559	19.5204	-0.507815	0.062329
PABPC4	103.792	106.319	0.0346992	0.986822
TMEM80	11.5003	14.1714	0.301313	0.899051
USP34	2.72994	2.76143	0.0165457	0.994615
SIN3A	4.56375	5.86837	0.36274	0.288804
SETD5-AS1	3.98227	3.78587	-0.0729669	0.974044
CKMT1B	12.0113	11.7957	-0.0261343	0.995309
PDCD7	14.6627	16.4198	0.163285	0.827857
ZNF202	3.438	4.39092	0.352957	0.386656
VPRBP	2.37885	3.15211	0.406053	0.80896
LOC93622	19.548	34.1534	0.805011	0.00134142
CEMP1	9.66934	13.9534	0.529126	0.498433
ALG10B	0.4854	0.318785	-0.606591	0.158178
FAM195A	104.148	150.772	0.533733	0.0523239
ZNF264	1.09877	0.871321	-0.33461	0.471406
FAM174B	7.91806	10.1169	0.35355	0.357799
CENPBD1	1.57451	1.50405	-0.0660441	0.990857
C1orf86	136.27	151.317	0.15111	0.90907
SATB1	3.23717	2.68705	-0.268707	0.646166
FOPNL	12.6692	11.7978	-0.102808	0.927627
ARRDC3-AS1	0.0830592	0.100719	0.278118	1
FBXO31	13.0957	15.9564	0.285041	0.506721
C7orf41	2.85195	2.39496	-0.251947	0.664397
TMEM187	6.37226	1.51182	-2.07552	0.00134142
CCDC126	1.1501	0.892008	-0.366625	0.619231
CAD	11.3213	14.1474	0.321503	0.368292
MZB1	0.047439	0	#NAME?	1
SRRM1	17.297	23.5745	0.446703	0.13237
VAV1	0.194902	0.088529	-1.13853	1
CETN2	25.2673	26.9736	0.0942787	0.944284
APBA2	0.00519499	0	#NAME?	1
CENPA	20.3381	18.4808	-0.13816	0.879159
PPP2R3A	1.05943	0.975645	-0.118866	0.946274
KSR1	0.152156	0.164741	0.11465	1
RPRD1B	5.76935	6.39457	0.148438	0.869283
EZH1	3.95062	2.50594	-0.656731	0.0270114
KNSTRN	20.1379	30.6641	0.606636	0.0222212
NUFIP1	2.37884	3.46082	0.540859	0.102329
TTK	5.21214	3.73146	-0.482135	0.146724
CEP135	1.46596	1.02923	-0.51027	0.184498
UBE2Z	42.1187	48.0646	0.190515	0.735667
LOC401010	0.00695386	0.00446936	-0.637745	1
ATP8B3	0.432844	0.177626	-1.28501	0.0162707
CCDC74A	9.7863	7.46966	-0.389722	0.950929
POLR2A	10.4313	14.8462	0.509177	0.0587985
SWAP70	5.82243	4.2119	-0.46715	0.12699
ADCK5	17.8691	20.4733	0.196272	0.954559
FLJ26850	1.47421	1.33832	-0.139516	0.955406
AGO3	1.21701	1.20967	-0.00872218	0.997082
DGKD	4.04396	4.18819	0.0505592	0.979701
ZNF420	0.852429	1.17322	0.460817	0.401028
NRF1	3.53329	3.54233	0.00368479	0.998764
VDAC2	171.962	155.518	-0.145005	0.851868

NCOA4	50.6214	36.5989	-0.467947	0.0963541
TADA2B	5.25982	5.94379	0.176369	0.940056
ZNF414	12.9649	7.44131	-0.800981	0.0386414
SEMA3D	4.2028	3.42736	-0.294255	0.482666
CFDP1	25.9545	24.4294	-0.0873634	0.947008
POLR1C	51.4604	70.5009	0.454178	0.109667
ADAM15	94.1187	115.031	0.289472	0.542245
DOK1	21.1966	31.1724	0.556437	0.769235
SETD1A	7.32573	11.2232	0.615439	0.0156972
ASH1L	0.978455	1.05948	0.114784	0.972601
PUS3	8.89949	11.0254	0.309042	0.651901
MAP3K9	0.496079	0.582101	0.230699	0.856449
MXN1	19.4162	26.6886	0.458962	0.192415
DPM3	129.148	137.43	0.0896669	0.949783
NUSAP1	34.8393	32.809	-0.0866246	0.945946
PTOV1-AS1	2.31806	2.49191	0.104335	0.990814
SLC38A8	0.0189032	0.182739	3.27308	1
PHKG1	22.9886	17.6946	-0.377612	0.74104
ZNF670,ZNF695	4.68784	3.91904	-0.258422	0.855674
C6orf89	5.10597	5.0006	-0.030083	0.988154
TIFA	7.11105	6.22023	-0.193093	0.771985
HIST2H2AB	0.258865	0	#NAME?	1
SMIM17	0.137493	0.136217	-0.0134584	1
MAN2A1	0.562331	0.623114	0.148077	0.935506
ARMC4	0.00345794	0	#NAME?	1
DMPK	12.3207	11.4443	-0.106457	0.935939
MLEC	22.6648	34.705	0.614691	0.0145499
GCOM1,MYZAP,POLR2M	9.63017	6.85313	-0.490798	0.0935542
GNAL	3.10897	3.01458	-0.044479	0.991857
WNT10A	1.04498	1.22075	0.224299	0.90314
ANKH	4.04822	3.37387	-0.262884	0.575816
ORC1	3.83546	4.10469	0.0978744	0.950929
ENO1	2293.69	2469.42	0.106501	0.939418
ETHE1	119.721	110.811	-0.111582	0.909768
CIR1	11.481	7.80533	-0.556713	0.0626518
BAIAP2L1	24.8781	14.2867	-0.800203	0.0601893
C1orf43	135.626	94.6505	-0.518955	0.205713
DSTN	63.5742	73.8029	0.215236	0.669697
UGP2	14.0852	10.8845	-0.371897	0.280083
MYL6	848.415	1017.07	0.261575	0.558681
CLDN14	0.115359	0	#NAME?	1
GEN1	1.53634	1.74324	0.182273	0.823491
RPL23AP82	5.06075	5.69997	0.171603	0.93549
CHCHD6	68.3405	85.2426	0.318834	0.380852
CSGALNACT1	0.0910037	0.248455	1.44899	1
UBE2E3	45.6756	49.2858	0.109748	0.91238
THAP7	29.4906	38.3324	0.378308	0.355274
HIST1H3B	1.16521	1.36547	0.228806	0.963451
SF3A1	20.2929	18.0256	-0.170928	0.805942
HYAL3,NAT6	25.0356	19.7897	-0.339233	0.429593
TTC21B	1.63756	1.0947	-0.581009	0.104845
PRR7	38.8475	58.5248	0.591224	0.487618
NDUFA10	17.9252	17.9569	0.00254943	0.998526
PNPLA6	28.9166	34.3659	0.249083	0.581565
TEAD2	9.21265	9.72077	0.0774555	0.96103
PRKAB2	3.14852	1.58639	-0.988926	0.00134142
AXL	211.707	145.294	-0.543091	0.0527559
GBA2	9.65567	16.3897	0.763344	0.414474
OLFM2	0.025484	0	#NAME?	1
POLR1D	238.196	177.266	-0.426234	0.189409
OGG1	14.4618	13.388	-0.111305	0.971854
ANO8	2.07114	1.69643	-0.28792	0.961293
PHKA1	5.52923	5.09946	-0.116732	0.912776
GPR63	0.860599	1.61988	0.912475	0.00425224
ZMIZ2	12.1639	13.5595	0.156707	0.823658
ARHGAP26	0.410185	0.782629	0.932055	0.00818401
COQ2	16.8309	14.0863	-0.256813	0.612588
MAP3K12	6.78252	5.91223	-0.198119	0.988657
AK4	15.6145	14.7231	-0.0848093	0.948088
UFSP2	9.77151	6.97185	-0.48704	0.240188
ENTHD2	13.4087	14.7874	0.141195	0.891331
FLJ43681	0.688731	0.76136	0.144638	0.950943
GRB7	0.0688784	0.0554209	-0.313621	1
ITIH4	0.255899	0.207889	-0.299762	1
SOCS2-AS1	0.556743	0.268279	-1.05328	0.96128
SYT7	2.49277	2.42767	-0.0381822	0.986822
EP400	2.63818	2.51342	-0.0698887	0.965148
ARHGEF40	2.47673	3.34502	0.43358	0.271828
C7orf43	9.57013	20.1284	1.07262	0.00134142

KIAA2013	56.5548	66.9715	0.243898	0.598176
IMPACT	3.79094	2.21214	-0.777112	0.009453
HTRA1	0.441605	0.795417	0.848954	0.237032
BCAS3	2.52069	1.0487	-1.26521	0.00134142
MMP15	6.70489	9.1071	0.441777	0.230041
ZDHHC23	3.35857	4.59709	0.452873	0.19325
FAM120AOS	17.4555	14.6994	-0.247922	0.922312
NFKBIL1	37.937	14.2823	-1.40938	0.00134142
MORC3	3.11559	2.32963	-0.4194	0.265309
SH2D2A	3.28913	1.28444	-1.35657	0.00818401
PGS1	10.3231	14.0043	0.439997	0.23451
CTDSP2	23.4921	14.6665	-0.679654	0.00672555
FAM83E	0.456721	0.544647	0.254006	0.937936
MEX3C	7.00051	4.94448	-0.501643	0.102585
CABIN1	8.34274	7.98498	-0.0632333	0.967289
TNFSF13B	0.0323949	0.0463222	0.515937	1
ST13P4	0.0955889	0.101136	0.0813853	1
NRIP3	0.00737837	0.00245053	-1.59021	1
STXBP3	6.01843	5.11728	-0.234011	0.685308
SEPT8	9.82462	10.6352	0.114368	0.91236
ABCG5	0.00610425	0.00826169	0.436623	1
B3GNT5	2.42122	2.9161	0.268308	0.642621
PODNL1	0.124195	0.0911143	-0.44686	1
MRPL34	79.768	130.519	0.710376	0.00743393
LINC00568	0.196931	0.158668	-0.31168	1
SMCR8	2.13503	2.28745	0.0994838	0.976326
EPN3	0.016796	0.0108241	-0.633878	1
ZNF507	1.34366	1.27267	-0.0783099	0.965148
B3GAT2	1.98221	1.48268	-0.418901	0.881073
TOP1MT	106.626	135.4	0.34467	0.303349
PEL13	11.1202	9.60014	-0.212058	0.744061
ZRANB2-AS2	0.258679	0.0752789	-1.78084	1
SAP30	39.6342	32.5295	-0.284997	0.520857
COQ7	3.7526	2.88924	-0.3772	0.406031
NADK	39.7497	60.5437	0.607033	0.0167292
NCOR2	9.47297	6.80587	-0.477037	0.101849
ARHGAP29	32.3664	34.7619	0.10301	0.927627
ZNF451	3.71134	2.99345	-0.310132	0.485223
TYRO3	16.0231	14.5253	-0.141589	0.864906
LMF1	23.4026	22.3713	-0.065019	0.970195
PCDHB3	0.166209	0.114197	-0.541468	1
PLA2G16	65.0157	55.9272	-0.217238	0.68423
GPBP1L1	10.5062	9.04438	-0.21615	0.693459
SORBS3	109.153	94.5591	-0.207058	0.700037
MTRNR2L5	0.00725439	0.00547198	-0.406792	1
LOC100289561,PRKRIP1	28.7029	27.3989	-0.0670775	0.970195
USP53	1.02259	0.682186	-0.583988	0.118443
GJA3	0.660402	0.71886	0.122366	0.952371
IFT27	11.152	8.70991	-0.356567	0.51222
RC3H2	2.78173	2.84595	0.0329273	0.98907
FBXO21	4.01973	3.71774	-0.112673	0.926423
KIAA0232	1.67913	1.72973	0.0428348	0.982907
PAPD7	10.0225	13.7913	0.460514	0.124106
ARPP19	13.4639	16.3136	0.276973	0.491932
NANOG	0.00767014	0.0108676	0.502713	1
DMKN	79.1228	96.5404	0.287041	0.563967
BRD1	5.42146	5.73936	0.0822071	0.95534
ASAP1	12.1069	10.2015	-0.247043	0.593697
PFKFB2	1.43963	0.851031	-0.758417	0.0349222
TMEM216	29.7166	34.3391	0.208582	0.716614
FAM199X	2.90617	3.59822	0.308167	0.441032
KAT2B	1.45091	0.953494	-0.605664	0.117139
PMEL	0.824407	0.534231	-0.625893	0.383539
CGGBP1	8.20602	6.88587	-0.253043	0.720017
FAM195B	62.6954	74.7104	0.25295	0.588366
TAF1C	13.7503	21.5341	0.647156	0.0132924
COX20	4.68218	4.25232	-0.138932	0.966566
MRPL36	102.588	197.576	0.945543	0.00134142
NECAB3	30.7483	28.0244	-0.133824	0.898626
RPP25	59.0589	109.545	0.891297	0.00134142
C21orf2	4.64291	6.38075	0.458698	0.313781
RNF152	0.843256	1.39236	0.723485	0.205335
IRF2	4.69452	5.4953	0.22722	0.748991
SNORA48	23.4997	23.3904	-0.00672691	0.998564
PIK3C2A	2.48915	2.62205	0.0750451	0.959024
MEX3D	25.8738	26.4056	0.029352	0.989268
TMEM45A	14.0662	4.86441	-1.5319	0.00134142
ZCCHC11	1.862	1.47959	-0.331653	0.486456
TBL1X	4.98086	3.5272	-0.49787	0.108704

SPIRE1	5.0569	5.02805	-0.00825301	0.997036
RIC8B	1.54376	2.31257	0.583052	0.226489
NANOS1	2.44679	4.18876	0.775632	0.00743393
IMPA1	8.81539	7.93834	-0.151187	0.849851
RALGPS2	2.36359	1.26844	-0.897919	0.00134142
WHAMMP3	0.168247	0.126483	-0.411645	1
SEPT6	7.18071	5.84452	-0.297042	0.518593
SCLT1	1.78687	1.60304	-0.156625	0.903932
GTPBP1	13.0286	11.8182	-0.140673	0.864932
MRPL45P2	2.40779	1.90047	-0.341357	0.666069
LRSAM1	15.4769	10.2225	-0.598367	0.0306129
WDR35	1.63557	1.82529	0.158334	0.86601
SPIN1	8.42787	8.47334	0.00776295	0.997036
ALG11,UTP14C	1.79701	2.07102	0.204744	0.787681
CREB1	1.91546	1.55737	-0.298575	0.515624
ZNF775	8.89722	5.77173	-0.624351	0.107348
HOXD3	0.750477	0.937782	0.321446	0.81342
MAVS	3.51955	3.3685	-0.0632837	0.966946
ARMCX5,ARMCX5-GPRAS1	2.95915	1.81241	-0.707275	0.0407579
DENND5A	8.6584	5.82697	-0.571355	0.0261279
NUFIP2	4.24345	5.01713	0.241624	0.599424
ZNF782	0.697983	0.594766	-0.230868	0.849166
TMEM243	14.8507	21.9929	0.566504	0.197175
CENPP	1.72016	2.08718	0.27901	0.958814
MRPL54	70.8048	92.3414	0.383131	0.255652
ATXN1L	2.06093	2.24914	0.126076	0.908729
NIT2	61.6148	48.3847	-0.348726	0.298345
FAM114A1	4.64357	2.77908	-0.740626	0.010797
RABL3	3.8666	5.39495	0.480542	0.147583
ADD1	20.0373	20.49	0.0322357	0.986822
NCF4	0.0143743	0	#NAME?	1
ZDHC4	41.1277	29.4358	-0.482537	0.0891066
RBBP4	7.56687	7.56683	-7.62E-06	1
HIST1H1B	0.0373138	0	#NAME?	1
CPNE2	27.9938	26.9552	-0.0545435	0.97582
RANBP6	4.69212	5.74927	0.293141	0.501931
SRRM2	37.6238	46.5963	0.30857	0.407645
GSTA4	11.081	7.12937	-0.636238	0.0477866
SHB	10.1405	10.6832	0.0752241	0.956382
RNF141	3.20695	2.58701	-0.309917	0.518913
TMEM79	3.64809	3.54038	-0.0432383	0.987235
RNF32	1.52379	0.950983	-0.680172	0.188259
ROGDI	8.95242	9.76709	0.12565	0.927439
STX7	4.74083	4.4724	-0.0840895	0.955656
FBXO22	6.72039	8.06107	0.262426	0.730493
LOC440894	1.62315	3.13631	0.950273	0.0150729
TXK	0.0628272	0.0260235	-1.27157	1
RGL4	0.609899	0.519898	-0.230341	0.966946
CNN3	69.4655	75.0271	0.111115	0.914142
SNX3	130.408	149.253	0.194724	0.739656
ZNF839	4.56077	3.79068	-0.266822	0.647681
FEM1A	17.128	23.3948	0.449835	0.127726
CYP27B1	1.71847	2.86692	0.738381	0.0908564
FAM211A	2.71195	1.86201	-0.542474	0.965515
DMTF1	3.2549	2.10011	-0.632152	0.291851
C11orf95	4.66963	6.27613	0.426567	0.218684
RNF130	49.2631	42.2263	-0.222366	0.653383
ATP6V1E2	2.334	1.56179	-0.579605	0.217535
LIMD1-AS1	5.2012	6.56407	0.335747	0.820283
MYRF	3.87281	3.22357	-0.264719	0.629966
CDK13	1.66966	1.88946	0.178417	0.835941
C10orf137	1.79053	3.39524	0.923125	0.00134142
GOLGA2P5	1.37315	1.02112	-0.427343	0.530962
ZNF644	6.20412	5.94657	-0.0611689	0.976326
ASTN2	3.09428	0.872855	-1.82579	0.148987
AKAP13	1.52722	1.52876	0.00145328	0.999108
ACTG1	3207.03	3221.72	0.00659337	0.99714
MTSS1L	14.1208	17.6402	0.321045	0.384848
HELQ	2.02945	1.64709	-0.301166	0.612792
TMED1	32.0495	47.7889	0.576374	0.0398899
PATL1	13.761	12.0089	-0.19649	0.729713
ZNF433	1.41219	0.902628	-0.645732	0.194841
MSH3	0.388163	0.331996	-0.225497	0.966946
CRLF1	0.906577	1.03755	0.194679	0.939418
GPC4	6.24453	4.59502	-0.442521	0.180428
SMIM3	8.73056	8.36221	-0.062191	0.973723
C17orf89	78.8824	150.303	0.930096	0.00134142
HECTD4	0.732199	0.727925	-0.0084452	0.997036
TNFSF12,TNFSF12-TNFSF	16.2321	9.64646	-0.750777	0.0231741

TSKU	15.3182	19.5165	0.349444	0.331712
SETD5	6.8845	6.76365	-0.0255495	0.990324
MED1	4.74049	5.25954	0.1499	0.845726
BET1L	20.7475	21.5183	0.0526234	0.977103
YPEL5	16.3314	7.82709	-1.0611	0.00134142
CXorf38	2.11923	1.98029	-0.0978258	0.951888
PTDSS2	44.8361	56.4786	0.333042	0.345539
PRMT2	18.809	22.3354	0.247906	0.613686
FAM132A	1.63452	1.7539	0.101695	0.979701
AFF4	3.19884	2.24502	-0.510816	0.0784289
ADD3	3.14348	1.16767	-1.42873	0.00134142
MARCH9	15.0034	17.1753	0.195044	0.750701
FAS	3.91179	4.10231	0.068607	0.974585
BORA	4.15955	3.57872	-0.216982	0.954677
MRPL48	23.3628	27.359	0.227802	0.684177
LOC441155	0.0914415	0.0898657	-0.0250785	1
ZNF385A	14.9795	10.9999	-0.445497	0.213335
PHKB	3.90956	2.47137	-0.661697	0.0189207
PRKRIR	11.0633	15.321	0.469731	0.10328
ABCF3	20.4879	30.0131	0.550821	0.036526
CD44	74.1422	59.4538	-0.318525	0.374085
CAST	30.9077	18.9126	-0.708619	0.010797
APBA3	10.9232	11.5398	0.0792227	0.964792
FYTTD1	7.72833	11.6789	0.595673	0.0865352
FILIP1L	2.61268	0.79804	-1.711	0.170566
CAT	7.25791	4.71991	-0.620795	0.0470437
WDTC1	1.30197	0.976868	-0.414459	0.501458
MFSD10	161.943	167.868	0.0518428	0.976618
ATP9A	2.83121	2.22502	-0.347603	0.392999
CHGA	0.0107071	0.0173702	0.698039	1
TACC3	37.5383	53.4716	0.510408	0.064193
FSTL3	34.4454	35.0552	0.0253186	0.990018
MANBAL	55.6983	71.1018	0.352253	0.289182
ARMCX6	31.3756	27.0481	-0.214114	0.771346
KDM5C	20.199	14.5597	-0.472304	0.0909525
ZNF165	9.19762	4.69428	-0.970357	0.00134142
HIC1	5.44431	11.1839	1.03861	0.00134142
DTNB	12.2848	6.27003	-0.970335	0.00134142
RARA	9.05839	10.8231	0.256787	0.621063
MTFP1	144.293	123.438	-0.225217	0.648914
C22orf23	3.66055	4.08356	0.157766	0.983286
CHRM1	0.00775764	0.00563584	-0.460988	1
GIN1	0.843258	0.819045	-0.0420324	0.988154
KCNAB2	35.9958	30.1353	-0.256372	0.602298
FADD	29.8638	42.2737	0.501361	0.0710419
RPUSD3	60.6302	28.5067	-1.08873	0.00134142
ITIH2	0.00814874	0.0295739	1.85968	1
GOLPH3	16.9041	16.181	-0.0630721	0.966946
SEC14L4	1.48287	1.08379	-0.452305	0.501458
ZBTB39	1.54353	1.48978	-0.0511313	0.979875
CEP44	1.82027	1.02636	-0.826612	0.0658487
SLC39A9	14.3718	14.0877	-0.0288053	0.990324
PANK4	10.5403	13.4122	0.347623	0.395326
LACC1	0.969062	0.602488	-0.685656	0.170566
ZNF579	31.6881	28.1329	-0.17168	0.821056
TMEM254	1.81912	1.1874	-0.61543	0.205713
LINC00152	456.958	369.344	-0.307097	0.406031
PRSS3	51.3509	46.2676	-0.150388	0.853758
CRHR1	8.62766	7.22951	-0.255072	0.734493
LOC440896	0.104879	0.147069	0.48777	1
WDR91	2.46489	2.10039	-0.230867	0.753695
ZNF221	0.0608509	0.108318	0.831918	1
CHADL	0.0291201	0.18643	2.67854	1
C11orf54	4.16298	2.18749	-0.928343	0.00425224
ATP8B2	0.835951	0.436884	-0.936167	0.0227017
GYS1	49.0268	29.6818	-0.723992	0.00243047
NFIX	6.80141	9.20431	0.436477	0.170566
KAT5	11.3751	8.73987	-0.380189	0.807024
IFITM10	0.682923	0.563503	-0.277299	0.990994
TCF7	5.8901	6.15751	0.0640545	0.974044
SCAF11	3.63666	4.00607	0.139574	0.870709
FRMD4A	11.2488	7.77238	-0.533341	0.0547855
MRPL42	12.6562	12.9786	0.0362888	0.985982
SFXN3	34.6369	17.1888	-1.01084	0.00134142
LOC100507463	1.06668	0.99015	-0.107407	0.99351
ZNF217	1.73569	1.70511	-0.0256449	0.991767
BDH1	21.3005	21.4423	0.00957272	0.996631
CROCC	5.33796	3.67341	-0.539168	0.103533
ARHGEF37	0.366412	0.134164	-1.44947	0.0126858

SLC6A1	0.00390138	0.00237206	-0.717845	1
CALM2	254.316	302.834	0.251903	0.592668
MEAF6	10.6415	11.1747	0.0705255	0.961224
LPCAT4	29.0907	25.9365	-0.165576	0.816305
IFRD1	16.9729	10.4436	-0.700614	0.00509212
TCN2	0.0566741	0.0494171	-0.197678	1
BDH2	5.89765	2.76024	-1.09535	0.00134142
ZNF558	4.58116	3.00166	-0.609952	0.0554961
TCAM1P	0.00446615	0.00268368	-0.734822	1
BID	29.3283	40.0085	0.448015	0.124319
PABPC1	818.662	665.815	-0.298148	0.518637
C6orf1	40.5621	16.393	-1.30705	0.00134142
AKT2	15.8361	21.8337	0.463338	0.106054
NXT1	35.3057	60.3973	0.774585	0.00134142
KIAA0930	11.1962	17.621	0.654288	0.0120701
LOC729852	2.65846	1.90587	-0.480141	0.717812
ARIH2OS	1.39948	0.740044	-0.919206	0.965148
PURB	3.77685	5.00991	0.4076	0.188729
ZNF600	4.52926	4.3714	-0.0511821	0.979701
ZNF24	5.25492	5.42535	0.046047	0.979701
ZNF511	32.8648	39.8008	0.276252	0.845296
RIN3	10.4137	13.7991	0.406102	0.231628
FOX1	0.0662644	0.0125728	-2.39792	1
GUK1	258.198	326.962	0.340644	0.342995
ACACB	0.425544	0.264259	-0.687355	0.169417
AGAP2	0.424771	0.314883	-0.431868	0.974044
PIGC	11.6576	9.86032	-0.24156	0.682065
MPP3	5.0533	6.30013	0.318153	0.499123
MOB1B	1.45041	1.37066	-0.0815902	0.962247
AKT1	64.2929	80.6181	0.326445	0.355857
USP49	0.152905	0.173657	0.183605	1
POFUT2	8.79296	8.24402	-0.0930014	0.950929
FCHO2	1.75751	1.16197	-0.596962	0.092295
ARID2	1.70716	1.75008	0.0358229	0.987235
SH2D3C	0.267949	0.198302	-0.434262	1
TINF2	15.7717	15.9581	0.0169513	0.99351
ZNF32-AS1	18.0752	16.8837	-0.0983875	0.985283
SPPL2B	5.66784	4.40835	-0.36256	0.468312
NCOA1	1.81305	1.93918	0.097035	0.947008
BSC12,HNRNPUL2	26.8062	25.7829	-0.0561535	0.979701
ZGPAT	14.0877	27.652	0.972947	0.0841079
DUSP22	11.5704	10.0525	-0.202894	0.798828
SLC26A11	7.46637	6.72652	-0.150547	0.888862
ARL4D	0.0120801	0.00739339	-0.708321	1
ATR	0.861265	1.10299	0.356894	0.445956
TMEM54	133.563	126.645	-0.0767283	0.95534
ZSCAN12	0.523034	0.354969	-0.559214	0.330501
SRGAP2D	0.306476	0.236328	-0.374981	1
CCDC53	19.8724	11.0853	-0.84212	0.00337323
FAM83F	28.5242	33.5122	0.2325	0.64705
CCDC40	0.311344	0.323208	0.0539498	1
TBC1D23	8.92312	5.78183	-0.626021	0.0167292
NFIL3	27.2635	15.6818	-0.797877	0.00134142
RRAGA	62.9169	66.5047	0.0800086	0.952905
AGL	1.77095	1.66465	-0.0893082	0.950929
PIWIL4	0.36185	0.357274	-0.0183628	0.996453
DENND4C	2.43645	1.83602	-0.4082	0.247003
ABHD14A,ACY1	84.3877	64.7833	-0.381411	0.281587
SERINC2	30.2071	20.16	-0.583397	0.0410573
CALCOCO1	8.21615	3.71898	-1.14356	0.00134142
LOC100288181	0.319637	0.155761	-1.0371	1
CERK	11.1424	13.8484	0.313659	0.399996
TOB1	10.9045	8.99558	-0.277638	0.575065
SLC48A1	9.41352	7.83347	-0.265084	0.888907
KDM5A	2.18228	1.73544	-0.330531	0.499286
RIT1	5.61857	3.32782	-0.755626	0.00672555
SND1	86.8643	68.9193	-0.333855	0.346372
NPW	0.344779	0.130906	-1.39715	1
PPP1R18	52.4945	52.7286	0.00641947	0.997036
NAA25	4.26303	5.96682	0.485082	0.102959
PRSS48	0.0288698	0.0116062	-1.31466	1
MBP	3.37384	3.62514	0.103642	0.942763
SDHAP2	0.984282	1.52501	0.631677	0.248869
E4F1	16.915	27.3234	0.691834	0.0101293
METRN	132.531	176.456	0.412981	0.184926
SEPSECS	0.988992	0.483526	-1.03237	0.00243047
LOC402160	0.0111599	0.00723513	-0.625232	1
ZNF780A	1.54919	1.41053	-0.135279	0.931471
FHL2	359.572	202.638	-0.827374	0.00134142

NEK9	5.49959	4.55839	-0.270801	0.540057
SLC37A4	23.32	18.8619	-0.306091	0.44532
EXOC7	27.7896	40.2877	0.535795	0.0485415
AH11	1.4726	1.5238	0.0493108	0.981044
CEP68	2.5131	2.46946	-0.0252708	0.997036
PPOX	14.489	9.18321	-0.657889	0.0390303
DOCK7	3.02276	1.95623	-0.627792	0.0357572
PFKM	47.1248	33.7191	-0.482921	0.123328
SRPK2	8.66963	7.76929	-0.158187	0.830816
CUEDC1	5.46368	6.15462	0.171795	0.855712
DENND3	1.03646	0.619453	-0.7426	0.0891066
SUN2	19.0107	14.3518	-0.405572	0.193036
SNTB2	1.37002	1.31353	-0.0607539	0.976618
KIFC3	42.0268	34.9548	-0.265818	0.539391
ZNF768	47.828	46.2912	-0.0471189	0.978196
GPR161	2.44656	2.91801	0.254229	0.628199
ERBB2IP	5.69687	3.23153	-0.817952	0.00134142
TUBGCP4	7.11685	5.43741	-0.38832	0.742614
STK11	20.5066	24.9954	0.285577	0.487792
IQGAP1	9.01183	6.68441	-0.43102	0.146551
BCAR1	23.7846	35.593	0.581567	0.0326415
APBB1	15.2482	11.075	-0.461338	0.164416
UPF3A	14.0729	14.3168	0.0247933	0.990857
IDE	3.21745	3.22871	0.00503814	0.997532
TMEM68	8.47678	6.27349	-0.43425	0.699313
SMC6	1.50309	1.60293	0.0927749	0.954768
ACSS2	6.09577	4.23904	-0.524069	0.10531
WDR47	1.56866	1.72528	0.137295	0.917325
FBXL16	25.5417	26.2921	0.0417753	0.98066
LINC00116	13.4964	16.6303	0.301233	0.478644
DHX8	6.42814	6.61332	0.0409747	0.982599
CGREF1	20.2962	17.8074	-0.188734	0.876899
EDN2	0.0189177	0.0162732	-0.217241	1
NOTCH3	0.164331	0.102766	-0.677234	1
PFN2	45.6782	42.2056	-0.114073	0.90608
SMS	176.9	136.514	-0.373885	0.286046
ZNF574	10.284	13.4257	0.384594	0.281145
MRPL43	86.2925	92.3717	0.0982159	0.950929
LOC100507217	35.7166	29.5981	-0.271086	0.525803
DTX2P1-UPK3BP1-PMS2P1	0.394469	0.510125	0.37094	0.845608
DIP2B	3.05134	2.72929	-0.160916	0.835119
EFCAB3	0.39588	0.223449	-0.825116	0.345729
RGN3	3.21529	3.76459	0.227545	0.847624
USP3	8.85854	8.34792	-0.0856527	0.950929
DEPDC1	5.16318	5.48782	0.0879729	0.948088
IFNAR2	7.84287	6.46956	-0.277714	0.663653
IKZF5	3.36894	2.94034	-0.196313	0.778996
TMEM102	24.4436	28.4087	0.216877	0.717812
PRKAR1A	20.0673	18.2152	-0.1397	0.882035
XK	0.390851	0.397432	0.0240883	0.994615
IFIH1	0.561264	0.277936	-1.01393	0.0410573
SLC31A2	7.95562	13.0579	0.714878	0.0145499
LOC100129931	9.43977	16.8095	0.832454	0.00425224
AP5B1	7.08106	9.57751	0.435685	0.152605
WWC2-AS2	0.842833	0.612566	-0.460383	0.726571
SLC30A6	3.53471	3.37182	-0.0680658	0.966946
ALAD	7.52113	5.15819	-0.544084	0.0824049
POM121	11.1825	14.0087	0.32508	0.530981
CCDC174	4.75199	2.73281	-0.798147	0.00882987
SPATA2	4.78383	8.19607	0.776765	0.00425224
ZNF28	1.33062	1.25883	-0.0800185	0.967901
USP2	0.546365	0.709727	0.377399	0.708923
ENTPD1	1.04927	2.01294	0.939922	0.00818401
KDM4B	11.6001	5.07658	-1.19221	0.00134142
TBC1D15	5.51799	3.24584	-0.765554	0.00337323
TSHZ1	1.59445	2.15205	0.432651	0.33121
MYRIP	0.00285389	0	#NAME?	1
SLC39A2	0.0123231	0.0684733	2.47418	1
NFS1	10.333	11.6546	0.173638	0.950929
FGF21	0.0271333	0	#NAME?	1
LMF2	52.3978	55.7758	0.0901312	0.93846
AKAP2,PALM2,PALM2-AKA	5.4731	5.91988	0.113209	0.909694
ARFRP1	14.0617	25.2926	0.846942	0.0671701
BEND7	7.24567	6.09435	-0.249647	0.673051
DIEXF	3.70266	3.7425	0.0154431	0.994562
ZNF408	10.5786	11.1533	0.076323	0.962558
TOMM22	83.0426	121.881	0.55355	0.0354094
ARID4A	0.624073	0.429372	-0.539486	0.24615
BCL9	1.76575	1.75738	-0.00685247	0.99714

EPN2	7.76581	7.77907	0.00246215	0.998564
PLCB3	21.3095	17.746	-0.264001	0.532349
WDR36	6.34081	8.35102	0.397286	0.199241
IGF1R	2.22896	1.83305	-0.282126	0.548564
FBXW9	8.10967	10.3938	0.358002	0.48277
BUB1	14.3214	16.0371	0.163241	0.816079
ICOSLG	2.62324	6.59104	1.32916	0.00134142
KIAA0754	0.243573	0.371781	0.610101	0.954907
SRCAP	5.01924	8.26082	0.718815	0.00134142
CSNK1D	38.06	44.0486	0.210821	0.690535
SRSF8	6.53737	8.47377	0.374294	0.277248
PIAS1	4.28616	3.87304	-0.146221	0.898291
APH1B	3.8521	2.24859	-0.776623	0.00743393
RASL10B	10.3887	9.13688	-0.185242	0.791404
BTBD1	21.7232	22.6682	0.0614355	0.969963
TTC30A	0.0915637	0.068562	-0.417367	1
EAF1	5.41856	4.97455	-0.123343	0.905536
GGCX	5.91486	15.0059	1.34311	0.00134142
RHOT1	5.25754	4.39767	-0.257649	0.63524
CLNS1A	96.4711	90.0884	-0.0987553	0.928138
TSGA10IP	0.282725	0.0501078	-2.49629	1
TTC38	15.8562	24.0436	0.600602	0.0274653
KHNYN	12.6134	7.66584	-0.718437	0.0354094
PKD4	0.215571	0.048521	-2.15148	1
ECSIT,ZNF653	43.2206	46.9464	0.119295	0.913628
PXMP2	13.8942	18.027	0.375675	0.417521
FBLN5	3.04773	1.48157	-1.04061	0.00337323
IQCB1	13.4455	10.3996	-0.370584	0.292352
GNB1	94.4677	94.2364	-0.00353698	0.998342
SMCHD1	2.98336	2.88355	-0.0490931	0.979452
MYO5B	0.860805	0.308321	-1.48125	0.00134142
CHST14	22.424	25.9748	0.21207	0.71078
INCENP	7.65182	8.65369	0.177512	0.805942
FASTKD3	8.98184	14.3259	0.673541	0.0678232
PTPRA,VPS16	29.5354	24.1397	-0.291041	0.609404
HDHD3	30.37	32.9685	0.118442	0.907688
PRX	1.46696	1.06	-0.46877	0.37983
FKBPL	5.72793	10.1072	0.819296	0.0150729
FAM21C	5.94009	4.85488	-0.291048	0.500907
PSME1	166.279	189.417	0.187959	0.779575
EFCAB4A	6.24399	5.51707	-0.178566	0.88245
NUDT22	59.3956	43.9806	-0.433489	0.185354
TRAFD1	10.3933	9.76729	-0.0896286	0.947008
BAZ2A	9.87087	9.19208	-0.102786	0.950929
ZNF692	20.0591	25.4211	0.34177	0.38116
KIAA0141	11.8472	9.46499	-0.323877	0.386954
TBC1D25	5.54566	6.24981	0.172453	0.830662
ETNK1	4.95026	5.38529	0.121522	0.947262
SLC20A1	8.93695	12.9038	0.529936	0.064193
WBP1L	6.02708	5.58153	-0.110798	0.925041
JAK1	14.5199	12.763	-0.18606	0.80896
ZNF267	2.24431	1.85161	-0.277489	0.648246
NUCKS1	17.0933	11.9054	-0.521816	0.0527559
SPAG5	17.7111	15.9081	-0.154887	0.83481
NEURL	6.42527	3.65261	-0.814829	0.00672555
ASCC3	3.34967	4.47311	0.41726	0.220369
HEATR3	1.77079	3.3004	0.898245	0.00818401
ZNF674	0.556345	0.241162	-1.20598	0.00672555
NBPF9	0.849776	1.00565	0.242978	0.830321
ITGB5	25.3405	18.2768	-0.471431	0.105875
PECR	2.8699	1.43404	-1.00092	0.00672555
EML2	14.3799	7.58538	-0.92276	0.00672555
KBTBD11	3.18213	3.53021	0.149763	0.875964
CAPN1	86.5876	78.9148	-0.133864	0.872494
LINC00673	0.362472	0.479599	0.403959	0.757993
OSGIN2	8.88018	6.61711	-0.424388	0.165169
COX18	4.04138	2.91696	-0.470384	0.167189
NFYB	5.12258	3.428	-0.579506	0.0444101
EID1	26.5034	30.8143	0.217421	0.671358
TUSC1	10.1823	13.0625	0.359367	0.348669
FAM50A	84.077	75.4438	-0.156309	0.829595
NAA40	4.64171	7.25485	0.644288	0.0306129
CCDC11	1.17042	1.09678	-0.0937561	0.972989
NKIRAS1	3.9336	6.19575	0.655429	0.965607
IMP3	124.933	198.624	0.66888	0.009453
ZNF282	23.857	24.938	0.063929	0.966946
CNOT11	22.2746	20.8199	-0.0974377	0.931471
ZNF439	1.30073	0.903883	-0.525117	0.312776
RIPK1	5.31322	6.58662	0.309952	0.454989

WDR26	7.29094	6.91214	-0.0769723	0.956711
APC	0.900758	1.00144	0.152869	0.874071
POLR2J4	0.77875	0.81074	0.0580791	0.990857
NME4	75.264	76.8969	0.0309652	0.987693
TAF1	1.95668	1.51653	-0.367633	0.986725
DYRK4	11.646	9.30593	-0.323612	0.457353
SLC25A43	7.24011	7.71043	0.0908008	0.950684
WDR33	11.2811	10.0846	-0.161748	0.830817
BMS1P4	0.280168	0.358792	0.356857	0.830101
MAT2A	27.6693	73.5104	1.40966	0.00134142
C16orf55	7.71124	15.0298	0.96279	0.610107
ASB1	29.1952	21.7171	-0.4269	0.162023
ERBB2	16.9423	18.092	0.0947284	0.934998
C1orf21	2.47757	1.13363	-1.12797	0.00134142
ZHX3	1.95264	1.52154	-0.359897	0.369215
ERGIC3	141.672	152.053	0.102016	0.926717
FAH	28.0536	25.1508	-0.157581	0.830321
IBA57	1.492	1.23736	-0.269985	0.665039
DNAAF3	26.3611	33.6212	0.350963	0.334951
ZNF713	0.151209	0.0953476	-0.66528	1
CAP2	3.93725	3.98541	0.0175399	0.99451
TRAK2	1.20299	2.02468	0.751077	0.0167292
ZNF687	7.63969	5.23799	-0.544501	0.477937
PCYOX1L	4.30646	3.36936	-0.354026	0.487792
MYOM1	0.122966	0.0282155	-2.1237	1
KANK3	3.13547	2.71112	-0.209791	0.879021
ATXN7L3B	15.1463	18.7567	0.308443	0.410986
EMB	1.9617	2.22981	0.184823	0.830662
GNPDA1	97.1526	62.8634	-0.628031	0.0194494
JSRP1	39.5193	24.355	-0.698336	0.0167292
HIF1AN	5.66248	5.32404	-0.0889124	0.944724
TESK1	23.9437	36.434	0.60564	0.0189207
TCEAL6	0.00970451	0.0334666	1.786	1
CENPC1	1.93212	1.44313	-0.420983	0.373076
NBAS	6.90065	2.95605	-1.22306	0.00134142
PPP6R2	12.6603	13.536	0.0964902	0.971338
LSM14A	25.2867	23.585	-0.10051	0.926121
ARHGAP10	4.46583	5.07849	0.18547	0.809759
CLCN5	0.679065	0.59766	-0.184226	0.876592
CSRP2BP,PET117	17.615	21.771	0.305601	0.553477
EIF5A2	1.28174	2.16703	0.757614	0.00743393
HIST1H1E	2.90244	2.11856	-0.454177	0.686273
MSH6	6.54033	10.4718	0.679076	0.113745
ROCK2	1.0529	1.0264	-0.0367822	0.987693
SNAPC4	12.1013	24.0627	0.991639	0.00134142
FKBP8	268.838	246.294	-0.126359	0.89153
P4HA2	31.9723	18.8943	-0.758871	0.00134142
PBXIP1	8.24607	2.77432	-1.57157	0.00134142
CHMP1B	16.9007	12.4671	-0.43896	0.410196
RCOR1	4.88652	5.98283	0.292021	0.491932
IRGQ	2.17521	4.47871	1.04193	0.00134142
ERMAP	1.9166	1.36221	-0.492602	0.50623
IGFL2	0.0354263	0	#NAME?	1
BCKDK	119.997	107.65	-0.156649	0.827184
FUK	4.3341	3.83303	-0.177246	0.851892
HIGD2A	249.298	265.543	0.0910752	0.939292
NMRK1	8.12234	3.26787	-1.31355	0.00134142
PPP2R5D	21.0396	21.4147	0.0254903	0.994615
ATG14	2.87118	2.03575	-0.496088	0.156302
PHF21A	3.19571	1.34213	-1.25161	0.00134142
FTH1	572.058	561.117	-0.0278606	0.989411
CAPN12	14.4457	19.046	0.398852	0.831277
PROB1	0.48951	0.75469	0.624545	0.508949
TMEM30A	12.4485	14.2866	0.198694	0.720774
RAP1GDS1	9.92631	7.99042	-0.312986	0.430215
HOMER3	81.171	60.2733	-0.429445	0.162023
KIAA0195	10.9642	7.73065	-0.50414	0.18135
EYA3	4.1309	7.01471	0.763929	0.00134142
HOXC10	7.97386	5.99193	-0.412256	0.343577
TCF12	7.60881	5.47879	-0.473813	0.121426
AVEN	5.76579	10.4835	0.862536	0.00425224
EIF2B4	29.3421	42.9347	0.549173	0.0447795
LGALS8-AS1	0.423158	0.350122	-0.273339	0.98922
UBQLN2	9.89669	10.852	0.132937	0.885624
MED9	8.92381	11.4458	0.359088	0.373169
KIAA0319L	7.7519	4.50999	-0.781426	0.00134142
C2orf15	1.62016	0.79121	-1.034	0.0605453
STK19	5.25013	4.42292	-0.247352	0.911348
PDZD11	19.8455	20.4018	0.0398826	0.984772

TFAP2E	3.31783	6.71344	1.01681	0.00134142
LOC100130855	0.388344	0.40071	0.045221	0.979701
COG2	6.29833	7.2437	0.201757	0.758079
PRMT10	2.15259	1.76117	-0.289543	0.658298
RNF7	52.8799	50.3053	-0.0720081	0.959465
EPM2A	0.359992	0.381973	0.0855048	0.99351
MIR497HG	1.27757	1.16095	-0.138097	0.994615
CTDSPL	6.71565	6.0717	-0.145426	0.859019
MSANTD4	3.49598	4.03665	0.207463	0.744819
PLEK2	42.9315	41.7731	-0.039462	0.980569
ZNF333	0.870512	0.358978	-1.27797	0.00243047
VSIG10	3.91109	2.77334	-0.495944	0.123604
C7orf13	1.05349	1.00161	-0.0728619	0.980704
ADAMTSL5	4.54698	4.21802	-0.108343	0.950929
LOC729041	1.8841	1.14144	-0.723024	0.212263
ALKBH2	32.0457	44.6848	0.479655	0.123542
FNDC7	0.00448943	0	#NAME?	1
CPT2	9.10774	5.91042	-0.623832	0.194686
ZNF620	0.691418	0.554445	-0.318514	0.771991
CBFA2T2	2.16759	1.73172	-0.323887	0.494995
SDHAF1	32.8407	46.9718	0.51631	0.0906031
C20orf96	8.06921	5.95773	-0.437666	0.271828
C11orf93	0.899988	0.294773	-1.6103	0.219411
PRG4	0.0445446	0.0683192	0.617041	1
AFF1	2.01808	2.30726	0.193198	0.776393
HYLS1	3.81149	4.90155	0.362885	0.789003
AQR	3.94573	4.1781	0.0825537	0.95534
RRH	0.104466	0.1419	0.441844	1
STRA13	82.0072	145.444	0.826639	0.00134142
MGC16275	2.293	2.01198	-0.188621	0.878089
ZC2HC1A	1.65516	0.751661	-1.13882	0.00134142
STXBP4	0.244789	0.339483	0.471798	1
CCDC18	0.350916	0.440759	0.328863	0.720797
RNF10	29.2047	22.5435	-0.373488	0.237422
DNAJC17	15.3793	21.7795	0.501976	0.542153
ZZEF1	1.82557	1.93791	0.0861583	0.952905
SGCB	3.53977	3.46254	-0.0318251	0.988742
GTF3C2	12.0664	16.2049	0.425433	0.156997
TTC28-AS1	13.48	11.3306	-0.250597	0.774943
LOC652276	2.95227	3.12776	0.0833054	0.965148
MLXIP	5.17171	6.11468	0.241636	0.657079
DACH1	0.282935	0.0584971	-2.27404	1
TBKBP1	6.0197	6.44581	0.0986712	0.945946
TRIM65	14.6023	15.6306	0.0981748	0.931471
CES2	8.06727	9.85516	0.2888	0.497347
GPBP1	13.296	13.2432	-0.00574502	0.997082
ZCCHC6	2.66391	2.33607	-0.189465	0.79799
HHIPL1	0.00815909	0	#NAME?	1
WRB	16.2243	15.5547	-0.0608041	0.973792
CENPT	17.014	23.8044	0.484509	0.820463
DFFB	3.8084	8.2603	1.11701	0.00134142
AGPAT4	0.487834	0.133569	-1.86881	0.00134142
TCF25	87.0051	81.6727	-0.0912454	0.939525
MAP2K7	21.1884	22.3254	0.0754124	0.956807
MPC2	15.4625	14.6189	-0.080933	0.965148
MAGED1	21.208	18.3101	-0.21197	0.694639
BMP1	7.82245	7.71968	-0.0190791	0.99351
SNAP47	18.1959	20.4778	0.170449	0.927627
CRLS1	16.3806	19.7039	0.266496	0.516969
LOC100128573	0.0456299	0	#NAME?	1
SLC15A4	9.12862	10.7386	0.234341	0.671358
ZNF239	2.12655	2.74742	0.369561	0.531743
ARHGEF19	8.57951	6.29603	-0.446452	0.222468
S100PBP	3.46088	3.23496	-0.0973891	0.990857
STYXL1	15.3211	8.41438	-0.864591	0.00509212
COG1	7.63058	6.05812	-0.332923	0.790844
ZBTB12	4.86642	3.70461	-0.393538	0.526544
EMC9	37.9474	37.9591	0.000448331	0.999929
ZFAND5	12.7828	12.6268	-0.0177214	0.993379
RAI1	4.10848	4.84055	0.236567	0.916337
LOC646999	0.0476509	0.0535008	0.167057	1
ACSS1	1.13299	1.07156	-0.080424	0.979701
COX5B	482.58	495.092	0.0369286	0.984917
GCHFR	74.4647	66.3549	-0.166353	0.829377
KLHL26	5.44389	5.392	-0.0138166	0.995957
POLR3GL	24.6447	12.3258	-0.999591	0.00134142
LPIN2	4.05079	2.13876	-0.921428	0.00243047
DHRS4	14.6327	14.2532	-0.0379102	0.988104
ZCRB1	21.6551	15.4857	-0.483767	0.0947123

SDHC	35.354	31.8825	-0.149108	0.844458
MCOLN3	4.66143	3.5889	-0.377234	0.363804
PIGL	5.28848	5.34377	0.0150051	0.995957
VPS13A	1.21758	1.24725	0.0347329	0.987627
KIAA1107	0.261081	0.0725411	-1.84763	1
GTF2E1	3.96843	6.15629	0.633492	0.0331269
SETDB1	4.14179	3.28534	-0.33421	0.582309
C7orf49	22.6375	27.0975	0.259446	0.617065
DLG1	3.24524	3.40169	0.0679253	0.970142
PARP12	6.76563	9.87946	0.546208	0.0671701
PRKAA1	4.78976	4.78604	-0.00112131	0.999427
PIPSL	0.00394985	0.00818323	1.05087	1
SECISBP2	7.53507	7.09763	-0.0862829	0.950929
LCAT_SLC12A4	23.7315	18.8501	-0.332229	0.534473
TARBP2	23.2904	40.8839	0.811798	0.00134142
B3GNT8	0.0155604	0.0429085	1.46338	1
MVD	32.7623	45.7602	0.482056	0.0947123
DTWD2	0.426489	0.340946	-0.322963	0.747331
IFT81	0.939334	0.96246	0.0350883	0.99093
SNX10	9.82727	5.09876	-0.946645	0.00134142
TUFT1	15.1615	5.23086	-1.5353	0.00134142
STEAP2	2.46597	2.38333	-0.0491776	0.986822
FDX1L	29.5375	54.1082	0.8733	0.00134142
ZNF740	6.58505	7.50766	0.189169	0.78806
ZNF589	4.42969	6.02166	0.442956	0.202623
NARG2	2.10737	1.78934	-0.236016	0.701805
POLG	14.6635	22.7206	0.631768	0.123893
HADH	41.0691	33.4271	-0.297036	0.431964
CLASRP	18.1278	19.0264	0.0698042	0.965814
NFKB2	37.8387	33.9572	-0.156149	0.83062
MOSPD3	48.8554	44.4011	-0.137924	0.881073
RBM4B	9.30408	9.34597	0.00648057	0.998764
PPP3CB	8.11672	6.03882	-0.426631	0.18514
CYB5R1	27.1493	19.7373	-0.45999	0.122378
TRIM69	0.136156	0.105691	-0.365412	1
LINC00839	0.00686042	0.00413837	-0.729234	1
KBTD4	7.37696	8.75945	0.247813	0.953101
R3HDM2	7.30327	2.61565	-1.48137	0.00134142
VGLL4	9.49582	10.6274	0.162428	0.909016
BRWD1	1.28356	1.16271	-0.142654	0.958201
ABL2	16.2459	7.26825	-1.16039	0.00134142
HSD17B11	33.9752	15.1075	-1.16922	0.00134142
PKDREJ	0.0127397	0.00112634	-3.49961	1
ENAH	3.53348	3.3764	-0.0656033	0.965735
RALGAPA1	1.13062	0.823065	-0.458037	0.252815
ABT1	22.8618	34.4392	0.59111	0.0288382
THOC2	3.24558	3.45337	0.0895286	0.94901
CDK16	45.3164	52.4584	0.211139	0.690353
SIRT1	3.97256	3.13109	-0.343405	0.416718
DCAF11	16.9858	12.7885	-0.409483	0.193036
ABCB10	2.821	4.08628	0.53458	0.107348
DAP	34.8126	39.0028	0.163965	0.807479
UBL4A	23.9863	39.8342	0.731793	0.00243047
CDX2	12.1768	17.5988	0.531349	0.0870955
MKL2	0.912829	0.938475	0.0399732	0.987334
UIMC1	10.8767	10.2301	-0.0884206	0.945783
PTPN12	8.19849	6.33449	-0.37213	0.288417
DCTN1	30.0223	31.4882	0.0687777	0.96103
ZNF576	5.68714	10.6606	0.906512	0.00134142
NEK6	29.0843	18.5917	-0.645583	0.010797
MCF2L2	0.126866	0.0624547	-1.02243	1
PKN3	78.8061	70.9994	-0.150501	0.874831
GDE1	23.5563	23.4906	-0.00403247	0.997532
BCL2L1	112.037	117.383	0.0672502	0.96513
MLX	27.0947	24.8033	-0.127476	0.931471
IFI27L2	199.241	201.051	0.0130453	0.995302
LOC100131347	0.0640131	0.0266555	-1.26394	1
TRIM16	3.76206	4.54167	0.2717	0.657112
LCE1C	0.126304	0.120141	-0.0721701	1
PEBP1	170.725	208.743	0.290053	0.46116
PPP2R3C	17.7218	14.691	-0.27059	0.550662
KAZALD1	3.35739	2.52237	-0.412558	0.481422
PGAM2	1.10298	0.463724	-1.25006	0.172302
ADO	7.10087	10.0856	0.506231	0.0824049
SSNA1	192.492	298.544	0.633141	0.0511722
FLJ46906	5.0112	2.32965	-1.10504	0.00882987
SARM1	0.618543	0.937536	0.600002	0.778471
C2orf72	6.19237	4.23688	-0.547492	0.0947123
ZNF485	2.89721	3.26907	0.174214	0.872838

GRHPR	110.978	96.4156	-0.20294	0.707559
COMMD2	3.81765	3.57716	-0.0938698	0.950929
FBRSL1	18.2148	32.661	0.842461	0.00134142
CPVL	13.0376	9.56048	-0.44752	0.179474
LOC100132215	0.118489	0.157156	0.407441	1
MED29	9.19038	8.68663	-0.0813266	0.955406
TSC22D3	12.3345	4.51091	-1.45121	0.00134142
TEX12	0.0699466	0.103328	0.562905	1
ZNF496	6.98503	4.88914	-0.514686	0.191743
ZFP106	3.45567	3.48081	0.0104578	0.996079
SETX	4.08159	5.51513	0.434263	0.146251
DNAL4	9.22947	3.80249	-1.2793	0.00134142
HLA-H	13.1455	20.1659	0.617353	0.0377654
ZFP36L2	7.15272	10.6016	0.567718	0.0576801
PAFAH1B1	13.1418	11.7388	-0.162875	0.811389
WDYHV1	11.6147	8.60865	-0.432099	0.246685
ZNF335	5.99207	6.83716	0.190343	0.786804
ZFPL1	40.4548	23.9207	-0.75805	0.00134142
CKAP2	13.7506	12.191	-0.173677	0.78079
ZFP90	2.74203	1.73466	-0.660587	0.0336095
BRICD5	4.25093	5.55138	0.385065	0.967901
TSTD2	4.91115	4.39629	-0.159774	0.965917
LOC116437	0.00632358	0.00423852	-0.577182	1
ZNF519	0.38358	0.378745	-0.0182999	0.996409
GNAI1	3.66381	3.01075	-0.283222	0.598332
PARD3	18.5988	11.9451	-0.638793	0.0150729
MBD5	0.178709	0.0299459	-2.57718	1
ZNF273	1.0019	0.768913	-0.381846	0.511715
ARL6IP4	196.617	232.87	0.24413	0.607335
ASPSCR1	21.9421	15.5767	-0.494309	0.142081
FLJ46300	0.00526025	0.0118374	1.17015	1
BECN1	19.5416	18.0396	-0.11538	0.91254
FLJ31306	11.1882	8.13033	-0.460588	0.701805
USP20	12.3364	10.9538	-0.171489	0.80896
ATP7A	0.495383	0.272585	-0.861836	0.0318033
F11R	5.55965	4.13711	-0.426371	0.199641
LYRM5	6.92771	5.17246	-0.421529	0.347164
SNORA14B	2.18411	1.39854	-0.64313	1
LOC220729	1.32065	2.28533	0.791156	0.0906031
AKAP8L	27.4429	20.8188	-0.398546	0.227784
TAOK2	10.6907	16.9103	0.661548	0.00337323
PRICKLE3	14.2981	15.3634	0.103668	0.93616
CIDECP	5.02249	5.23967	0.0610729	0.983594
SPATS2	9.14872	7.90875	-0.21012	0.716391
FLVCR2	1.03455	0.813682	-0.34646	0.672217
C6orf106	16.0039	17.9843	0.168316	0.803764
SNHG9	56.0683	133.83	1.25514	0.00134142
LOC643837	2.14511	3.49166	0.702861	0.021138
PDS5B	1.95333	2.05695	0.0745695	0.963266
SLC2A8	27.6155	34.2574	0.310938	0.437764
PACSIN2	15.669	19.7304	0.332511	0.349479
SHOX2	0.136361	0.122482	-0.154864	1
KCNK4	0.0190417	0.0804189	2.07837	1
CLUAP1	2.90481	2.56444	-0.179801	0.847596
ATP5O	320.787	318.387	-0.0108344	0.996079
C8orf33	34.5969	58.5057	0.757936	0.00134142
ILK	74.4449	69.2278	-0.104822	0.950045
CDC73	4.8236	4.99216	0.0495523	0.978196
C9orf169	2.81154	2.75714	-0.028188	0.994615
AKAP10	3.80511	2.58992	-0.555028	0.0806848
NAGPA-AS1	0.014405	0.0380851	1.40265	1
RAD17	7.53943	6.31096	-0.256597	0.93549
COL11A2	0.214889	0.207021	-0.0538153	1
TMEM14B	83.5806	74.4751	-0.16641	0.806888
INPP4A	2.22995	2.11988	-0.0730267	0.966946
ZNF592	3.20093	2.65883	-0.267701	0.580074
ABR	18.6514	25.8786	0.47248	0.0912351
TBL2	18.4226	21.6539	0.23315	0.624337
PPTC7	1.13183	1.14804	0.0205189	0.99451
LOC150776	8.69609	9.41124	0.114018	0.979701
ITGA1,PELO	15.7999	20.3525	0.365284	0.279887
CREB3	30.8039	42.6501	0.469436	0.63475
CTSH	19.6327	17.9696	-0.127694	0.901579
PITPNM2	2.62896	2.71313	0.0454618	0.982907
ANKRD53	0.0354648	0.00749109	-2.24314	1
TRIAP1	21.8164	32.6233	0.580489	0.0357572
CDK4	202.147	181.267	-0.157287	0.835541
RCL1	11.3906	15.3606	0.431388	0.190295
RIN1	48.8542	35.3897	-0.465154	0.108219

ACO2	22.553	17.8536	-0.337101	0.790844
ERCC6L2	0.372539	0.419484	0.171222	0.961224
CITED4	99.1908	102.07	0.0412807	0.984074
LINS	1.79387	1.90508	0.0867755	0.966946
BRAP	4.9419	4.90374	-0.0111853	0.996079
KIF27	0.300127	0.293124	-0.0340633	1
LAMB1	14.9786	9.16148	-0.709246	0.00509212
TBC1D10A	13.6393	13.1899	-0.0483292	0.979866
ARAP1	13.8474	11.4146	-0.27874	0.510627
CYLD	1.86193	1.15884	-0.684115	0.0178668
DYNLL2	22.2453	30.6384	0.461839	0.134793
LMBR1L	12.0267	7.24264	-0.731657	0.0126858
TMEM183A	34.9719	38.8027	0.149959	0.842
PRRG4	2.38071	3.57087	0.584881	0.0501327
LSM14B	21.5266	15.3484	-0.488031	0.0991734
CNOT6L	2.50991	2.51414	0.00242635	0.998564
DCP1B	8.99672	4.71024	-0.933598	0.00134142
PICALM	22.8108	19.5186	-0.224868	0.664149
SLC12A7	12.4539	13.918	0.160357	0.824676
TMEM123	42.5575	31.2686	-0.444702	0.12522
C19orf12	4.69094	4.7091	0.00557308	0.99714
CCNB2	45.0543	35.2793	-0.352844	0.307051
ARFGEF1	3.83172	3.50703	-0.127743	0.887701
PSMD5	17.4491	22.3243	0.355459	0.289311
C12orf73	3.15521	3.66503	0.216087	0.829181
USP30	2.46679	1.46991	-0.746906	0.0292254
TATDN2	7.95	13.4625	0.759916	0.00134142
THSD4	0.115231	0.0918466	-0.32723	1
CAMSAP1	7.76708	7.4781	-0.0547009	0.973348
CHIC1	1.00212	0.775726	-0.36944	0.453868
CRSP8P	0.0128192	0.0358923	1.48537	1
ICAM3	9.04391	12.3477	0.449227	0.224272
PERP	30.8986	21.2938	-0.537109	0.0481547
MCTP2	0.707609	0.45313	-0.643029	0.224751
HUWE1	6.91181	6.0093	-0.201866	0.705025
SRRM5	0.534961	0.759639	0.505879	0.877493
PIEZO1	17.8046	30.8961	0.795177	0.00425224
PPIE	42.4156	30.7928	-0.462004	0.263143
SEMA4C	12.5209	14.0441	0.165617	0.827004
RANBP2	3.76975	4.74583	0.332192	0.343415
CYBASC3	8.3973	12.2991	0.55055	0.905052
CNP	19.904	25.1214	0.335861	0.65203
HOOK2	9.24713	8.0745	-0.195632	0.797015
PLCB4	0.590418	0.462276	-0.352982	0.624393
LOC654342	11.9393	16.0799	0.429538	0.367602
HOXA1	1.689	1.50354	-0.167805	0.913628
SRGAP3	0.0186136	0.00115255	-4.01346	1
MRPS36	20.0995	20.1697	0.00503171	0.99714
MAP4	20.261	20.7685	0.0356888	0.984917
GOLPH3L	6.08917	3.22384	-0.917465	0.00134142
LINC00657	24.7941	24.6124	-0.0106133	0.995957
QRSL1	4.58269	3.80136	-0.26968	0.585481
DTWD1	7.68392	6.35674	-0.273555	0.563736
SLC35E1	14.6547	15.1698	0.0498403	0.977103
CCNT1	3.70496	4.11893	0.152812	0.847061
MFG8	15.3024	15.1968	-0.00999381	0.996453
MED13L	1.65449	1.01223	-0.708853	0.0205623
ARHGAP35	4.03336	4.09977	0.0235611	0.991223
SHC3	0.0354433	0.0145791	-1.28161	1
TBC1D16	4.18948	4.60233	0.135593	0.893751
SNRNP35	11.5876	15.6573	0.434252	0.273394
PCNX	2.64784	2.1704	-0.286855	0.472765
KDM2A	11.3087	12.2419	0.114395	0.909768
SZRD1	42.6811	61.2887	0.522024	0.0539552
USP9X	5.91798	4.08879	-0.53343	0.0390303
FHAD1	1.76213	0.937015	-0.911179	0.00337323
INPP5B	4.90984	3.92176	-0.324174	0.460219
DEF6	18.4075	13.5325	-0.44387	0.158666
NSMAF	16.8206	20.246	0.267414	0.525867
ANXA2	578.356	636.79	0.13886	0.877191
HK1	71.4987	45.1094	-0.66449	0.00425224
CCDC25	10.8105	9.11837	-0.245591	0.617582
SLC16A2	4.76835	4.57479	-0.0597867	0.97418
GPC1	34.1004	56.0103	0.715904	0.00509212
BRF2	10.2386	10.5246	0.0397461	0.985094
MARCKSL1	243.811	356.424	0.547832	0.0390303
PYURF	62.1473	91.3039	0.554985	0.0345327
GABRB3	0.640637	0.359793	-0.832338	0.0527559
OXR1	9.1868	4.77343	-0.944536	0.00134142

POP5	30.7904	48.6529	0.660048	0.0178668
MALAT1	52.4608	50.9203	-0.043001	0.981044
C12orf57	320.047	366.593	0.195895	0.724812
ZNF721	3.37618	3.53764	0.0673966	0.986822
MAML3	0.723488	0.363671	-0.992335	0.551636
TRAF5	4.00326	3.7252	-0.103858	0.934181
CREBBP	3.25855	2.85009	-0.193224	0.765317
TMEM127	9.73381	12.404	0.349724	0.293861
APH1A	106.323	105.44	-0.0120296	0.995957
NUDT7	4.08509	1.29837	-1.65367	0.00134142
LRIG3	0.893868	1.02279	0.194381	0.875534
ACSM1	0.00695966	0.00473908	-0.55441	1
TRAPPC6B	4.2757	3.93983	-0.11803	0.922312
MEF2A	3.75889	2.68311	-0.486403	0.128787
EBPL	126.65	115.101	-0.13794	0.865379
FAM171A1	15.3049	18.0998	0.241979	0.609019
PAFAH1B2	19.108	24.2278	0.342488	0.315059
CIB1	186.136	210.455	0.177159	0.777021
HTATSF1P2	1.79682	1.39293	-0.367323	0.470491
OCRL	7.89229	4.93822	-0.676452	0.00818401
RASGRP2	0.643072	0.329786	-0.963451	0.142081
MGC2752	11.0124	11.914	0.113527	0.918818
COX16,SYNJ2BP,SYNJ2BP	34.1934	44.8649	0.39187	0.243837
NBEAL1	0.0410146	0.0290525	-0.497475	1
IPO5	27.7238	24.6039	-0.172242	0.793038
WDR82	15.3262	22.5071	0.554378	0.030994
COL27A1	4.27711	4.59455	0.103289	0.937765
KIAA1045	0.00279034	0.00223191	-0.322166	1
CDK2AP1	48.3947	95.148	0.975324	0.00134142
FOXP4	10.2058	12.2065	0.258257	0.581815
LRGUK	0.115565	0.0857839	-0.42993	1
SNX7	11.2136	9.39364	-0.255491	0.62798
ZNF516	2.43964	1.53219	-0.671074	0.030165
MSRA	9.16348	16.631	0.859903	0.00337323
AGAP4	1.03959	1.05203	0.0171555	0.996079
FOXN2	2.94745	2.53845	-0.21552	0.730454
PROSER2	3.6829	3.71138	0.0111124	0.997036
ZNF609	3.48478	3.24601	-0.102401	0.930066
INTS12	14.0891	12.6064	-0.160421	0.844458
TXNDC16	0.578611	0.270565	-1.09662	0.0132924
RBPM5	29.2988	20.9699	-0.482523	0.208452
MGST3	79.3225	70.8766	-0.162422	0.817735
EIF3G	299.289	311.85	0.0593143	0.977332
TNIK	6.39805	6.48424	0.0193055	0.996453
TTI2	5.93259	8.36438	0.495596	0.58083
TMEM185A	6.09743	6.73139	0.142703	0.89239
SOLH	27.9011	54.5277	0.966669	0.00134142
POLQ	0.568466	0.71777	0.336448	0.556835
NSUN4	6.62979	5.81749	-0.188568	0.781722
FBXO2	1.95106	1.31048	-0.574157	0.965515
GLO1	100.008	91.1918	-0.133135	0.877187
RAB38	22.6543	18.5573	-0.287797	0.510297
PRR11	5.80378	4.39116	-0.40239	0.228416
ZNF486	1.46567	1.03286	-0.504923	0.257766
YIPF1	11.5632	11.8745	0.0383259	0.985921
KATNBL1	6.70706	5.34901	-0.326407	0.430215
CHEK2	12.6501	8.18742	-0.62767	0.030994
EIF3H	564.053	478.746	-0.236571	0.646497
WDR45B	46.3985	45.1021	-0.0408832	0.98066
FAM78A	3.51251	5.14045	0.549394	0.106054
ANKRD24	0.135249	0.0380922	-1.82805	1
TMEM81	3.17366	4.84832	0.611339	0.141232
ZNF343	2.74465	3.6985	0.430322	0.264345
SPTAN1	30.0833	21.7532	-0.467731	0.335283
TTC23	2.9168	2.16526	-0.429844	0.312486
SLC36A4	3.58372	3.51687	-0.0271643	0.991767
CCDC91	4.40457	4.13579	-0.0908406	0.954677
HERC2P2	1.7205	2.48183	0.528572	0.13619
ACAP2	3.4126	2.83681	-0.266598	0.57439
RFX1	3.06158	2.77186	-0.143424	0.921047
PGBD1	1.96914	2.82534	0.520855	0.16323
EIF3K	296.395	321.163	0.115787	0.909435
XRCC1	16.8978	10.2937	-0.715079	0.0114515
GMPPB	7.10633	11.4068	0.682722	0.460498
TRIM33	2.79971	2.62994	-0.0902481	0.947008
PCBP2	182.907	140.57	-0.379815	0.277735
THOC6	141.39	145.667	0.0429935	0.987858
MTFMT	9.71032	12.0727	0.314161	0.418623
CTBP1-AS1	3.68807	3.90508	0.082486	0.963346

PTPN9	6.07757	5.19419	-0.226596	0.705893
NSMF	96.1127	121.719	0.340754	0.337762
TMTC3	1.01364	1.10794	0.128337	0.921047
FIG4	4.47093	2.48991	-0.84448	0.00425224
SOCS2	7.78975	7.97951	0.0347226	0.986822
LOC388906	0.225568	0.219617	-0.0385758	1
C21orf33	68.2276	43.9903	-0.633169	0.0132924
USP35	2.44156	3.4694	0.50688	0.214052
KLHL20	1.77712	1.78772	0.00857712	0.997036
SLC17A5	9.1126	5.78563	-0.65539	0.0183825
TRAPP11	5.46339	3.24369	-0.752157	0.00509212
SOX12	19.204	19.8538	0.0480068	0.978981
SCCPDH	27.0116	19.9971	-0.433791	0.14478
SH3BP1	22.5404	23.9024	0.0846398	0.950263
LRRC41	30.74	40.9019	0.412052	0.2823
AHCTF1	2.06465	3.10399	0.588227	0.0357572
ZNF146	14.9004	16.445	0.142293	0.857872
DESI2	16.1228	15.9302	-0.0173325	0.99351
LOC100286793	0.883277	0.581294	-0.603598	0.525803
LRRC4B	0.829993	0.229019	-1.85763	0.0162707
SMPD1	6.74162	4.48806	-0.587003	0.0873591
SYCE2	0.78655	0.85657	0.123033	0.95534
DLL3	0.020559	0.0451298	1.13431	1
C20orf203	0.00349339	0.00748196	1.09879	1
CIZ1	111.887	99.5694	-0.168266	0.817299
NAT1	1.94323	1.73112	-0.166747	0.909768
CELSR2	2.36223	2.51013	0.0876126	0.951888
FXR1	6.14674	5.1896	-0.244199	0.609835
EFNB1	8.54047	11.2603	0.398852	0.267569
ZCWPW1	1.09601	0.427665	-1.3577	0.729625
SLC4A3	3.8037	3.50432	-0.118267	0.932468
C11orf57	9.14997	8.59789	-0.0897842	0.972989
KIAA1609	5.21771	3.05492	-0.772281	0.00509212
PRR12	4.47167	5.66613	0.341552	0.403783
C15orf52	0.0280049	0.0542779	0.954685	1
SLC9A3R2	38.102	48.7383	0.35519	0.294113
FBXW2	8.00101	12.4319	0.635789	0.0132924
PRR19	7.30908	10.5072	0.523612	0.78475
NUP133	7.40047	6.28648	-0.235364	0.653433
WDR37	5.53067	4.89408	-0.176417	0.806993
RGS20	0.078173	0.019258	-2.02121	1
FNBP1L	4.87382	2.79363	-0.802913	0.00509212
PLEKHG3	10.8066	12.2633	0.182429	0.781066
ANKRD30BP2	0.0248582	0.0115043	-1.11155	1
AUNIP	5.86777	7.44291	0.343055	0.450737
DNPEP	45.2167	42.1243	-0.102205	0.926446
TEKT3	0.138852	0.096001	-0.532426	1
CACNA1A	0.00246885	0.00152208	-0.697791	1
COMMD5	62.6545	112.02	0.838271	0.00134142
OMA1	5.55239	2.82702	-0.973829	0.00425224
IPP	1.05718	0.742147	-0.51045	0.918619
MGRN1	17.2945	21.6137	0.321638	0.390876
TMEM19	2.68076	2.74926	0.0364026	0.986831
MCTS1	2.80534	2.52607	-0.151282	0.846498
DHFR1L1	0.789339	0.430267	-0.875412	0.09508
FMNL2	7.12207	7.09105	-0.00629729	0.997082
PRKCA	0.876316	1.02565	0.227015	0.765568
MLLT4	4.82894	4.13868	-0.222536	0.671358
CCDC66	1.35755	1.94837	0.521261	0.81526
SRP72	20.0348	15.889	-0.334478	0.327394
MED11	22.8622	24.3509	0.0910116	0.984772
RYBP	6.57603	4.72083	-0.478178	0.113745
TRMT13	2.39093	2.92409	0.290421	0.637571
PLEKHM1	10.1373	6.23119	-0.702096	0.0156972
PDE8A	5.11344	5.11766	0.0011898	0.999416
CEP76	1.59876	1.43365	-0.157253	0.979701
ZNF148	1.81911	1.59917	-0.185909	0.795735
PCGF2	42.0875	39.3566	-0.0967876	0.953061
CPSF4L	0.0306017	0.0887215	1.53567	1
GRK5	5.31493	5.89005	0.148229	0.891839
WWP1	6.54118	7.67712	0.231016	0.653104
ACOX1	3.94501	4.13771	0.0688052	0.977332
JMJD1C	4.56407	2.1417	-1.09156	0.00134142
TMED3	94.6226	120.247	0.34574	0.301426
CKAP4	20.648	21.8617	0.0823998	0.950929
CCDC22	17.6364	15.5876	-0.178162	0.80896
SCARF2	1.57788	1.30113	-0.278227	0.847891
CNOT7	26.587	26.5785	-0.000461763	0.999427
INPP5E	21.8828	18.7526	-0.222704	0.678458

LTBR	38.5797	79.5354	1.04376	0.00134142
DHX35	3.53568	3.97383	0.168542	0.85977
METTL8	2.20597	2.67586	0.278589	0.669472
UBE2J1	10.183	11.1649	0.132809	0.873286
ZRANB2	12.0818	15.8767	0.394072	0.220496
ALS2	3.59237	3.38576	-0.0854561	0.959465
NUF2	11.6237	8.77345	-0.405853	0.264637
KCNAB3	0.566634	0.523207	-0.115035	0.971854
NABP1	17.9566	22.9783	0.355757	0.293795
SNORA63	58.2908	50.6897	-0.201575	0.990857
DFFA	15.539	18.1851	0.226863	0.700253
GPX1	709.888	933.209	0.394609	0.200793
MARCH6	9.48408	7.23117	-0.391278	0.20932
TCEAL8	43.3997	31.0759	-0.48189	0.0906031
C11orf31	157.769	160.604	0.0256901	0.99351
FAM171B	0.213783	0.123401	-0.792795	1
ZC4H2	4.72098	3.00811	-0.650229	0.0390303
ENPP4	1.60266	1.17735	-0.44493	0.281427
TRPM7	2.43751	2.21732	-0.136595	0.884417
DDX58	0.484979	0.416574	-0.219349	0.865814
LYZ	0.0547163	0.0192482	-1.50725	1
PCGF3	4.97295	4.34272	-0.195503	0.762454
LRRRC37A4P	0.945569	0.804328	-0.233399	0.777374
ADH5	45.9194	31.9483	-0.523365	0.0507992
PARPBP	1.57802	1.63355	0.0498902	0.985921
ADPRHL2	35.6811	43.2157	0.276395	0.501931
C2orf44	2.967	5.55123	0.903802	0.00134142
ZRSR2	6.39771	5.94178	-0.106659	0.944813
SLC6A6	3.58341	6.51985	0.863505	0.0250278
PQBP1	78.2673	94.7061	0.275047	0.791404
NUMA1	18.7529	12.6771	-0.564886	0.276401
KIF4A	5.89365	7.32724	0.314108	0.435611
LIG3	5.31077	5.89007	0.149365	0.865541
TP53BP1	2.75476	2.43913	-0.175561	0.952469
RAP2A	3.1474	3.29167	0.064657	0.972111
PKIB	0.0472565	0.0127341	-1.89181	1
DOPEY2	1.53762	0.969538	-0.665334	0.0507992
NEDD4L	8.29597	4.66255	-0.83129	0.00134142
FPR3	0.0370528	0.0244171	-0.601689	1
KCTD18	2.22227	1.36326	-0.704973	0.0828001
ZNF513	9.24204	12.6948	0.457957	0.845726
SSR4	429.822	501.607	0.22282	0.751467
VPS13B	1.55516	1.14117	-0.446547	0.219954
SNORA38	2.06058	5.44677	1.40235	0.920028
POLE4	87.3043	132.958	0.606843	0.0178668
SEC24A	1.89911	2.03588	0.100332	0.942472
TNS3	0.00224366	0	#NAME?	1
MAPK11	14.8624	14.2595	-0.0597446	0.974494
ST3GAL4	18.8	24.9671	0.409293	0.204101
PLA2G6	2.21961	0.863948	-1.36129	0.00243047
KIAA1715	4.1099	1.83014	-1.16715	0.00134142
SIM2	3.29995	2.76278	-0.256325	0.689101
JUN	133.59	146.78	0.135842	0.869898
RPL6	2650.68	2943.25	0.151045	0.871957
C18orf25	1.97183	1.57967	-0.319912	0.540505
TCP11L1	3.37226	2.05935	-0.711525	0.0451064
LUC7L	23.4177	49.4695	1.07894	0.00134142
FAM183B	0.443331	0.228672	-0.955105	0.346561
CDIP1	0.00732219	0.04106	2.48738	1
CRTC3	6.69008	5.6354	-0.247507	0.619231
SPECC1	6.47652	4.28339	-0.596468	0.0373672
THADA	1.70481	2.54605	0.57865	0.0730091
NSFL1C	20.7703	27.0034	0.378617	0.232252
FMNL3	3.42724	3.41172	-0.00654864	0.997036
PARP14	2.70674	2.27073	-0.2534	0.620198
SNRK	0.522489	0.577084	0.14338	0.943036
FAM104A	13.6935	12.6634	-0.112829	0.938305
OSBPL1A	3.71444	2.22896	-0.73677	0.0178668
MSRB2	8.82468	6.24422	-0.499023	0.153149
SWT1	0.818064	0.4301	-0.92754	0.507313
KDM5B	6.30495	5.82792	-0.113506	0.912521
GALM	4.43736	2.80522	-0.661587	0.0576801
PDE6B	0.00613396	0.00884954	0.528784	1
CTNNA1	53.0582	48.0437	-0.143228	0.852163
PIGA	2.79862	2.22021	-0.334015	0.527104
CRBN	6.29589	3.56282	-0.82139	0.00134142
OTUB1	63.0851	91.014	0.528788	0.0431891
CHURC1,CHURC1-FNTB,F1	23.9977	16.3859	-0.550439	0.399996
B4GALT6	3.63593	2.01278	-0.853131	0.00243047

FANCG	17.4631	13.6537	-0.355011	0.315903
PRRT1	1.89377	0.860488	-1.13803	0.0511722
SOS2	1.47016	0.939006	-0.646772	0.0739785
CASC2	0.188536	0.115126	-0.711631	1
ERRF1	50.7289	21.9438	-1.20899	0.00134142
PRRC2A	32.4202	36.26	0.161487	0.81665
SLC7A10	0.179187	0.337106	0.911734	1
GLG1	17.1745	12.8014	-0.423969	0.159812
SLC35E2B	5.93079	3.16308	-0.906893	0.0862993
LOC100289019	1.60164	2.12878	0.410475	0.444143
LINC00493	129.07	120.28	-0.101766	0.928018
MRPL27	77.6487	122.931	0.662819	0.00818401
SLK	3.69893	2.95696	-0.322994	0.426476
ANP32AP1	0.0220508	0.0132311	-0.736891	1
TKT	293.709	256.542	-0.19519	0.744243
EVPL	4.67404	5.45813	0.223736	0.713826
RASL11A	2.96924	7.70481	1.37567	0.00134142
MED4	15.9297	16.6009	0.0595369	0.972088
ZFYVE27	14.5428	22.7717	0.646935	0.010797
ERI2	3.39559	3.09206	-0.135095	0.937187
MRPS27	38.0773	36.6647	-0.0545399	0.974044
ACTN1	69.3169	73.2906	0.0804203	0.952469
RAB14	21.5979	23.7041	0.134244	0.874807
RNF170	5.2957	3.08688	-0.778671	0.0189207
CLSTN1	27.9317	28.5596	0.0320723	0.987423
RAB40A	0.557673	0.539852	-0.0468546	0.993379
ASAH1	25.4545	14.7827	-0.784018	0.00337323
ASB3,GPR75,GPR75-ASB3	3.24687	2.3104	-0.490906	0.823658
SRC	18.1689	19.1898	0.0788675	0.954559
RFWD2	9.00927	9.50729	0.0776249	0.95835
PHLDB1	2.97893	3.34978	0.169272	0.85508
DPY30	56.9271	53.4845	-0.0899942	0.943861
AASDHPTT	9.5679	12.3	0.36238	0.303349
ARHGEF12	5.01797	4.35367	-0.204874	0.707322
ADAM1A	0.437664	0.827558	0.919037	0.0678232
VPS52	8.68818	5.99092	-0.536275	0.0882057
PURA	3.80696	6.9447	0.867271	0.00134142
RAB24	27.4393	33.2469	0.276977	0.531475
LAMC1	10.0213	7.57452	-0.403848	0.191486
SERHL	0.0143485	0.0401798	1.48557	1
TERF2	10.4917	9.86539	-0.0888012	0.945946
BAG1	16.4874	26.1567	0.665819	0.00818401
ZNF707	9.62275	14.41	0.582554	0.0685498
PHF20	2.66403	2.12032	-0.32933	0.454347
NDUFV3	28.3987	27.055	-0.0699255	0.967901
GD12	154.117	137.38	-0.165846	0.81342
ORAI2	3.15852	5.70684	0.853445	0.0101293
LOC729732	1.45041	0.966566	-0.585525	0.464668
CCSAP	1.74467	1.89809	0.12159	0.925191
TSR3	100.025	178.849	0.838383	0.00134142
MGST2	69.9483	51.1655	-0.451117	0.164179
WIPF2	4.43894	3.25265	-0.448602	0.176896
INTS3	8.3127	6.85983	-0.277145	0.533392
TP53I13	57.4173	43.5339	-0.399346	0.218942
CDCA4	32.7871	32.1903	-0.0265013	0.989514
CBWD2	1.73264	2.89052	0.738356	0.0523239
CSNK1E	66.0784	57.9049	-0.190493	0.739331
LINC00696	0.00546038	0.00445194	-0.294565	1
FAM160B2	17.6011	17.2002	-0.0332385	0.986822
TLK1	6.49789	5.62007	-0.209382	0.703995
ZNF497	1.63138	1.38453	-0.236697	0.855712
CDHR3	0.0516631	0.0610737	0.241419	1
RHOT2	39.9307	64.0787	0.682347	0.00509212
ESYT1	41.2716	33.2688	-0.31098	0.392645
IRF2BP1	21.0884	30.5673	0.535539	0.0691409
DDX20	6.47067	6.30229	-0.0380384	0.986928
UCKL1-AS1	0.160463	0.18793	0.227957	1
SOX13	4.22995	4.53798	0.10141	0.944284
FXN	9.50597	12.2027	0.360296	0.72508
CTC1	2.69725	2.19292	-0.298636	0.556835
PUS7	7.48519	11.51	0.620782	0.0167292
CYB5D2	14.7633	8.97801	-0.717548	0.0235476
ANKMY1	1.46105	0.972962	-0.586551	0.319563
TUT1	10.0738	8.71144	-0.209618	0.749584
LOC646278	0.387024	0.218115	-0.827336	0.282228
RPS6KB2	50.5812	69.7151	0.462872	0.105875
TSPYL1	20.1768	23.1204	0.196465	0.732349
PCBP4	42.6587	53.5513	0.328082	0.364877
ZBTB45	10.8261	15.4188	0.510167	0.147583

TUBB	458.777	601.782	0.391446	0.275337
AAED1	28.8757	26.8847	-0.103071	0.927422
SLC6A8	62.883	63.6963	0.0185386	0.993379
CENPN	19.1504	22.8348	0.253862	0.857291
RBMX2	19.1127	16.803	-0.185812	0.7854
FBXO10	2.53476	2.89524	0.191832	0.816305
CCDC85C	17.4269	29.1209	0.740741	0.0270114
DLX1	4.75605	8.45755	0.830478	0.00425224
C17orf72	0.0797368	0.114334	0.519935	1
CTU1	12.5858	13.5163	0.10291	0.945946
FLJ35946	0.393565	0.261607	-0.589201	0.976756
ALDH7A1	14.8759	11.6669	-0.35056	0.290899
MGC27345	1.93436	3.73769	0.950289	0.00134142
CKLF,CKLF-CMTM1,CMTM	58.9544	49.2109	-0.260619	0.588846
TRABD2A	17.6472	20.3478	0.205434	0.747687
PRC1	18.2624	19.362	0.0843545	0.954559
STXBP5-AS1	0.0281074	0.0106195	-1.40423	1
TTC19	21.4289	19.2997	-0.150979	0.866155
PGD	111.219	117.943	0.0846893	0.947008
WDR19	2.42225	1.18397	-1.03272	0.00134142
GNB3	1.96136	3.52914	0.847463	0.0370005
KIAA1429	5.88636	4.98683	-0.239253	0.632634
ZNF225	0.579065	0.562677	-0.0414181	0.990857
SSBP2	2.10789	1.11139	-0.923438	0.251616
NEU1	79.2366	54.2053	-0.547733	0.042771
CCDC73	3.73059	3.84762	0.0445631	0.994615
METTL21A	8.34472	10.5507	0.338401	0.337034
MMRN2	0.206746	0.394362	0.931663	0.157488
LMO7	2.68606	1.37551	-0.96552	0.00134142
CEP170B	11.421	18.1139	0.665402	0.00509212
TMEM106B	3.45443	2.13254	-0.695873	0.0120701
ZNF286A	2.15971	2.89282	0.421637	0.240188
DAD1	224.139	252.523	0.172022	0.790283
CD40	17.4755	12.9489	-0.432501	0.205713
PRKAG2	17.0999	15.8744	-0.107281	0.933526
ITIH3	0.00516734	0	#NAME?	1
DEFA5	0.0596997	0	#NAME?	1
AGFG1	4.17563	4.64961	0.155116	0.877879
NCS1	49.4772	64.6398	0.38566	0.216749
LSM10	61.9359	108.333	0.806622	0.00134142
PLEC	14.0252	27.3946	0.965866	0.00134142
HTATIP2	36.7851	31.2006	-0.237547	0.643946
STX17	2.91549	2.25513	-0.370528	0.311781
SPAG16	7.47736	5.27053	-0.504581	0.191486
ANKRD19P	0.79157	0.74967	-0.0784621	0.979875
RAB11A	21.2985	18.9628	-0.167574	0.801139
STX3	13.2341	8.44351	-0.648351	0.010797
WDFY3	1.04137	0.736518	-0.499689	0.136959
COPS7A	50.1281	46.8236	-0.0983846	0.92969
RFESD	1.53113	0.908784	-0.752587	0.115606
NFATC4	0.435518	0.0771224	-2.49751	0.00243047
RXR8	22.6202	13.2475	-0.771896	0.00337323
LOC100289509	0.327626	0.248794	-0.397101	1
ARHGEF7	8.55467	9.11013	0.09076	0.941621
APEX1	190.484	193.66	0.0238564	0.990857
ADCK3	22.3793	15.9007	-0.493076	0.0914856
ISCA1	25.5555	29.1611	0.190413	0.746304
ATG2A	10.6184	7.59747	-0.48297	0.104594
TMEM184C	4.32124	3.99136	-0.114565	0.929635
COG4	10.5167	6.39273	-0.718174	0.0126858
CYB561D1	3.82574	3.31068	-0.208613	0.763683
UQCRC1	224.549	221.291	-0.0210885	0.991767
MAP4K5	8.39216	6.62023	-0.34216	0.327394
ROBO1	1.04452	0.667376	-0.646264	0.0820682
ECHDC2	9.74471	7.78518	-0.323889	0.539391
ZNF830	10.8749	13.7969	0.343349	0.400613
FNDC3A	4.97868	3.35475	-0.569557	0.0394523
ZNF367	3.7136	3.29994	-0.170378	0.845974
PKD1	4.51621	5.38586	0.254066	0.7854
LINC00176	0.379896	0.342519	-0.149419	0.955517
ZNF618	2.11273	1.9685	-0.102007	0.940338
RRAS2	19.0269	17.1604	-0.148956	0.844123
SOCS3	17.3095	27.4423	0.66484	0.0101293
HINT1	722.691	832.633	0.204302	0.718396
TMEM60	26.3428	18.2409	-0.530234	0.0957181
MRPL10	80.4458	55.0061	-0.548427	0.0340561
NSMCE2	23.704	12.8374	-0.884777	0.00134142
CDC27	6.82772	7.63891	0.161962	0.81526
EHMT2	20.1893	20.389	0.0142028	0.994615

MTMR12	3.7735	4.19449	0.152589	0.85744
SAC3D1	44.509	69.6161	0.645324	0.0183825
DUSP16	2.68297	1.6222	-0.725879	0.0156972
ITPR2	0.381291	0.290683	-0.391449	0.490826
SLC2A1	97.0803	72.0847	-0.429485	0.176673
STAM	6.47745	5.64801	-0.197683	0.752661
SHANK2	0.559155	0.315175	-0.827097	0.0515434
C11orf91	1.86754	2.01954	0.112891	0.976214
OSGIN1	17.084	12.4313	-0.458664	0.205713
ARFIP1	5.90564	5.43555	-0.119668	0.914427
MAP7	5.63702	3.18632	-0.823041	0.00337323
HEG1	1.7973	2.59774	0.531424	0.0932788
ARRDC1	90.9568	85.8494	-0.083373	0.950074
NFU1	35.8314	27.3424	-0.390087	0.240188
USP32P2	0.0719049	0.0804963	0.162834	1
TADA1	7.34785	6.44637	-0.188834	0.806888
RAB40C	15.7734	16.9938	0.107516	0.930066
THUMPD2	8.71591	11.1757	0.358643	0.330501
TXN2	101.163	102.84	0.0237176	0.990857
KIAA1586	2.78813	2.75391	-0.0178169	0.99451
RPUSD4	22.2324	23.1327	0.057271	0.972111
TRIM21	6.53418	6.08496	-0.10276	0.946274
C19orf52	17.3987	16.7891	-0.0514557	0.979944
ANKRD13A	27.1206	19.5407	-0.472912	0.0953833
NME6	12.9707	11.2981	-0.199171	0.807124
ARNT2	1.79326	1.58857	-0.174863	0.852163
DEPDC1B	7.21718	7.76895	0.106285	0.931733
AGPAT3	7.85752	11.3845	0.534922	0.0436049
ESF1	2.29307	3.55187	0.631297	0.0447795
YIPF2	31.777	31.8552	0.00354169	0.99862
EPHB6	0.132714	0.0807791	-0.716269	1
ADPRM	6.12053	3.03998	-1.0096	0.00134142
MAP3K3	4.82531	5.50275	0.189532	0.889598
MMAB	6.20188	5.48085	-0.178307	0.80896
SUSD4	0.247991	0.225761	-0.135491	1
TRIM72	4.38172	3.38233	-0.373479	0.600205
TPD52	32.1816	23.7603	-0.437683	0.130354
IGLON5	0.0062201	0.0375591	2.59415	1
KCTD15	10.8324	13.8909	0.358792	0.30664
ATP9B	2.02206	1.5337	-0.398809	0.433179
C9orf9	7.58876	3.37818	-1.16762	0.00593755
DDX59	4.85069	2.31939	-1.06444	0.00134142
SPATA2L	15.4659	13.9468	-0.149162	0.957112
MICU1	30.9492	19.527	-0.66443	0.0120701
SENP5	3.72455	5.70245	0.614516	0.0235476
GSTO2	37.8177	21.3872	-0.822311	0.00134142
CCDC115	16.1764	18.2989	0.177862	0.808353
PAQR5	2.92207	2.74028	-0.0926677	0.950929
ABCD4	14.2995	11.003	-0.378068	0.264491
SASH1	1.1499	0.607534	-0.920469	0.00509212
ISG20L2	12.9709	25.3473	0.966546	0.00134142
SNX13	2.59524	1.87264	-0.470788	0.145692
NLN	3.19794	3.66522	0.196756	0.73595
DDX47	31.7458	40.1175	0.337663	0.317218
THAP6	1.59619	1.1048	-0.530853	0.211132
POLR2L	172.779	336.653	0.962329	0.00134142
NOMO1	14.0365	17.8526	0.346955	0.315903
TATDN1	55.4024	37.5996	-0.55923	0.265454
ANO7	2.54349	2.52154	-0.012504	0.997036
FAM21B	1.01711	0.901654	-0.173829	0.898626
DND1	8.95194	13.3687	0.578584	0.619291
SLC35D2	25.6825	19.1639	-0.422393	0.177959
CDC42BPB	9.4348	10.245	0.118857	0.901579
HPCAL1	44.9874	76.277	0.761728	0.00593755
HEXB	68.6442	48.6251	-0.497439	0.549043
PWWP2A	5.34236	3.6638	-0.544137	0.0860016
LAMTOR5	139.289	145.837	0.066267	0.963669
MED28	35.0439	32.9965	-0.0868501	0.948088
PTK2B	0.542	0.117983	-2.19971	0.00134142
SV2A	0.0337097	0.0751075	1.15579	1
SMEK1	11.9904	13.0791	0.125383	0.893663
SH2B1	14.3935	21.601	0.585683	0.0357572
TRIM35	5.50606	6.81828	0.308386	0.482596
MARCH5	10.1945	8.93112	-0.190878	0.756513
RNF181	175.748	122.648	-0.51898	0.0531423
SPIN2B	2.05386	3.40748	0.730369	0.117923
KIAA1324	0.152605	0.123967	-0.299848	1
FBXO44	21.5885	22.6359	0.0683528	0.964792
DCAKD	15.367	13.5986	-0.176385	0.819877

ING5	3.16252	4.86791	0.622225	0.0436049
GGT1	5.25969	3.0097	-0.80536	0.14478
UBE2G1	11.1933	15.9431	0.510297	0.062329
DUSP3	21.4277	17.509	-0.291379	0.461203
ANXA2P2	3.94129	3.82482	-0.043278	0.987693
CD3D	0.0261125	0.0184884	-0.498119	1
NF2	8.52891	12.6423	0.567821	0.0386414
PAC SIN3	41.6174	40.3168	-0.0458072	0.979701
TFDP2	3.07662	1.63271	-0.914075	0.00134142
AEN	28.9229	37.4753	0.373729	0.248384
OSBPL3	1.51343	2.63773	0.801475	0.00425224
SCN1B	4.57127	3.69486	-0.307076	0.722658
LMLN	0.407682	0.350074	-0.219781	0.865379
TTBK2	0.359371	0.150451	-1.25618	0.0167292
MYL12A	363.065	262.876	-0.465848	0.108219
TBC1D14	0.770374	1.11763	0.536815	0.926293
GRK6	28.4735	31.0468	0.124825	0.919413
SMPDL3A	1.48411	0.990433	-0.583466	0.276855
AGTPBP1	4.88998	2.96579	-0.721413	0.00743393
ATP6V1G1	101.109	103.463	0.0332061	0.986822
WASH1	5.92708	4.04585	-0.55088	0.177118
RELA	59.932	58.3751	-0.0379722	0.98439
LOC100506060	1.10832	1.52541	0.460812	0.527104
PHF19	89.7218	149.907	0.740542	0.0227017
COPS4	24.5229	23.088	-0.0869916	0.94971
MADD	6.39692	5.68789	-0.169483	0.812413
MAPK7	9.10401	10.8388	0.251634	0.853057
MTRR	4.67393	7.6224	0.705609	0.0126858
MAP3K7	5.37445	5.88587	0.131138	0.887208
LCMT1	38.971	30.3973	-0.358458	0.304248
PER2	2.1398	3.3982	0.667298	0.0240561
CTDNEP1	114.71	113.671	-0.0131294	0.994615
ARHGEF3	1.32006	1.3314	0.0123398	0.996639
SUGP2	7.62757	9.38602	0.299291	0.466056
UBE2C	297.369	332.92	0.162923	0.819681
KDM2B	8.96675	11.9702	0.416787	0.179474
RLN2	0.0610481	0.0124715	-2.29131	1
PRMT3	4.31124	5.12983	0.250806	0.671358
LOC100128361	0.565834	0.858877	0.602072	0.966946
CUL4A	16.7688	21.1373	0.334012	0.317218
ZNF621	2.42011	2.18618	-0.146661	0.871957
SYF2	36.1711	22.5764	-0.680022	0.00743393
TMEM186	12.7241	17.7192	0.477751	0.130554
ANKRD13D	17.3366	25.7712	0.571935	0.0444101
VEZT	6.20529	4.47769	-0.470745	0.123604
IST1	24.2095	23.4748	-0.0444593	0.979701
POLR2H	228.415	275.413	0.269941	0.5209
CCNC	24.0741	25.5403	0.0852963	0.945946
CRAMP1L	2.13874	2.275	0.089107	0.954768
SENP2	6.8862	6.0606	-0.184249	0.799188
DGAT2	6.42715	7.32791	0.189221	0.812215
TICAM2, TMED7, TMED7-TIC	12.8557	13.3432	0.0536951	0.976122
COTL1	244.793	281.732	0.202764	0.721145
GGTA1P	0.196851	0.0970207	-1.02074	1
ATP6V1F	593.257	595.336	0.0050466	0.99714
WDR1	132.806	140.297	0.0791693	0.954907
LRRC16B	0.374717	0.212494	-0.818378	0.261459
MECR	14.6008	14.6992	0.00968732	0.996453
RAB9B	0.112902	0.0959392	-0.234875	1
VWA9	28.4691	35.2806	0.309476	0.415016
KRIT1	4.29186	4.094	-0.0680905	0.966946
CCDC90B	19.452	12.7709	-0.607066	0.030994
C15orf37	2.17089	2.44836	0.173528	0.984501
SNX5	42.0692	33.513	-0.328046	0.348909
GSK3B	5.31389	4.43105	-0.262119	0.556835
RNF8	6.33642	8.76455	0.468011	0.105875
PTPN14	1.52479	1.39841	-0.12482	0.909164
ITM2C	105.604	99.7962	-0.0816063	0.950972
CAPN10	11.4346	22.4567	0.973746	0.00134142
TRIM28	180.93	315.2	0.800836	0.00134142
GRK4	0.411491	0.349288	-0.236443	0.917325
AIMP1	19.3852	14.5235	-0.416562	0.19586
ITGA11	0.00341852	0.0023615	-0.533669	1
RHBDL3	0.987202	1.60781	0.703678	0.068174
GEMIN4	19.2622	29.8322	0.6311	0.0132924
SDE2	3.92684	4.19985	0.0969684	0.947247
PSMG4	29.0429	28.5625	-0.0240646	0.991767
RPSAP52	2.63148	0.477063	-2.46362	0.680566
EIF2A	19.1705	15.4655	-0.30983	0.403849

MAN1B1	42.5052	31.6307	-0.426314	0.148987
MRPS33	29.2288	25.8033	-0.179835	0.819397
PLEKHM2	32.502	29.5752	-0.136139	0.870198
EIF1AD	10.9069	19.9264	0.869439	0.485249
ADRBK1	35.914	41.0927	0.194335	0.736403
ORAOV1	5.87071	8.08417	0.461564	0.207172
PPP3R1	12.2331	13.464	0.138316	0.870734
ZBTB38	1.6553	0.973119	-0.766408	0.0120701
SLC25A1	161.337	169.383	0.0702109	0.961224
PGAP3	1.74815	1.42012	-0.299821	0.743924
GTF2IRD1	21.31	9.16881	-1.21672	0.00134142
SAMD12	1.80261	1.0368	-0.797955	0.0150729
WDFY3-AS2	0.180114	0.0610736	-1.56029	1
C7orf53	0.509757	1.04061	1.02955	0.0601893
FASTKD2	5.03065	6.38888	0.344818	0.325034
RAPGEF4	0.0631673	0.0128814	-2.29389	1
ATP2C1	14.9391	13.8308	-0.111209	0.91945
PPFIBP2	1.8225	1.63059	-0.160518	0.902851
DHX36	5.75685	5.82993	0.018199	0.99351
BAHD1	10.8817	12.0279	0.144482	0.856449
GABARAPL1	8.14673	3.3227	-1.29387	0.00134142
ICAM5	1.87079	1.09175	-0.77701	0.173436
FANCA	7.00647	10.7639	0.619437	0.396936
TPBG	11.9923	12.1548	0.0194208	0.993108
RWDD3, TMEM56, TMEM56-	10.9217	8.88319	-0.298044	0.692141
ENPP1	0.944083	0.684322	-0.464239	0.277658
DDT	291.471	310.95	0.0933308	0.940009
RALA	13.0597	14.9192	0.192052	0.744106
BMS1P1	0.0987416	0.0640495	-0.624472	1
B3GAT1	7.85877	7.32656	-0.101167	0.935955
POMZP3	8.28977	12.698	0.615197	0.341797
FBXO4	6.22582	3.52083	-0.822349	0.0200038
DLX2	2.09383	2.79631	0.41738	0.563967
STAT1	5.49335	9.08363	0.725584	0.00337323
LIPA	12.7035	11.4906	-0.144768	0.855026
XIAP	2.14703	1.64806	-0.381573	0.330501
MUC6	0.0408775	0.0941009	1.2029	1
UBIAD1	10.1024	14.69	0.540142	0.0474163
PPP2R5A	11.292	10.3055	-0.131876	0.885254
SBN01	3.19157	4.15453	0.380418	0.245718
MSI2	5.80371	3.13901	-0.886663	0.0145499
AHCYL1	22.7615	18.9251	-0.26629	0.527972
GAS5-AS1	0.684044	0.405971	-0.752711	0.946731
COL4A2	0.00304699	0.00189681	-0.683809	1
SLC2A13	0.462597	0.37265	-0.311936	0.707294
NXNL1	0.0351344	0	#NAME?	1
APOA1BP	145.94	148.307	0.0232118	0.990857
UBAP2	5.89606	8.24448	0.483678	0.105593
C19orf53	148.146	195.181	0.397787	0.194377
RABGAP1L	1.86314	1.46366	-0.348156	0.821525
UBR5	5.96151	4.85681	-0.295667	0.446078
CPS1	0.464361	0.232144	-1.00023	0.0373672
TMEM258	516.974	491.847	-0.0718825	0.958814
TSTA3	176.143	236.622	0.425839	0.156997
PRMT7	11.4559	13.4174	0.228021	0.700075
CD14	0.0949973	0.235386	1.30907	1
FBXO32	1.6391	0.530891	-1.62642	0.00134142
KANSL3	7.83155	8.55376	0.127261	0.887208
DENND4B	10.6305	9.47096	-0.166624	0.808353
BBS2	12.0873	6.59662	-0.873696	0.00134142
ARMCX4	0.258848	0.329255	0.347102	1
FLYWCH2	40.1477	42.1195	0.0691707	0.966946
ZNF844	1.05083	0.588716	-0.835888	0.0605453
PGLS	130.124	114.885	-0.179693	0.780271
CAPZA2	44.8263	47.7917	0.0924148	0.938123
KCNK6	10.959	16.9864	0.632258	0.0227017
ORMDL2	24.1851	26.3686	0.1247	0.954691
DGCR2	17.8824	21.2166	0.246648	0.596611
LRRC27	2.96354	1.9559	-0.59949	0.298465
GAN	0.231282	0.235481	0.0259539	1
ADAP1	19.0864	24.1428	0.339047	0.379029
YTHDC2	2.04272	1.60909	-0.344247	0.432272
EPG5	1.40175	0.693539	-1.01518	0.00134142
RRAGC	13.0866	7.95024	-0.719025	0.00425224
SP4	0.598832	0.316868	-0.918266	0.0345327
C19orf21	0.357073	0.158163	-1.17481	0.161828
PWWP2B	21.8659	22.4004	0.0348449	0.987334
NINL	1.89952	1.69404	-0.16517	0.889644
WDFY1	4.32811	3.09687	-0.482925	0.13292

KIAA0947	2.74246	3.94851	0.525839	0.0601893
FAM118B	6.02998	10.5286	0.804088	0.292352
ZNF428	11.83	13.4436	0.184471	0.845971
ZMYM6	1.73061	1.46147	-0.243862	0.711382
TMEM106C	109.981	97.961	-0.166976	0.808953
DVL1	67.4216	75.2529	0.158536	0.821622
RNF11	16.7368	13.5551	-0.304184	0.418191
SPEN	3.30901	4.44145	0.424633	0.184498
CHD3	12.6791	13.0633	0.0430627	0.979733
TULP3	9.05555	6.22828	-0.539969	0.0704662
BRAF	2.01576	0.854474	-1.23821	0.00134142
LOC440354,LOC595101	1.93602	2.18526	0.174711	0.854482
RELB	14.0169	21.8376	0.639648	0.0231741
FAM92A1	32.2118	32.1691	-0.00191371	0.99862
PSME4	9.25205	9.7572	0.0766945	0.954677
ANAPC1	6.4633	6.43836	-0.0055776	0.997082
RAB6A	20.546	18.5151	-0.150157	0.848382
SRSF5	71.5459	66.903	-0.0967974	0.932313
ZNF668	8.69074	16.6073	0.934266	0.00134142
KIAA1671	1.90655	1.99048	0.0621573	0.972989
KLC4	5.338	3.09879	-0.784593	0.0200038
RPE	6.07936	6.36667	0.066621	0.982412
ADAMTS8	0.0062236	0	#NAME?	1
LENG1	13.274	11.0594	-0.263329	0.926899
RAF1	20.1867	25.3475	0.328438	0.501959
RNF41	10.5774	7.26359	-0.542233	0.0481547
METTL15	2.93159	1.86031	-0.656143	0.0326415
HMG2	20.3973	17.5367	-0.218002	0.82146
APEH	97.7475	91.9531	-0.088162	0.946765
PPP2R5B	17.4518	12.5012	-0.481315	0.120065
PPP3CC	0.0612182	0.0962228	0.652418	1
SWI5	38.392	27.8894	-0.461089	0.141091
ARID1A	4.79138	3.95073	-0.27832	0.530219
RABL2B	5.63438	6.73926	0.258334	0.768707
ZNF383	2.04039	1.2649	-0.689818	0.140867
PRDM16	1.44183	1.25899	-0.195627	0.830321
ZSCAN26	5.50952	3.36131	-0.712901	0.0222212
LOC100093631	0.378684	0.27862	-0.442698	0.640679
TMEM38B	11.4001	10.2788	-0.149384	0.845974
ZNF296	22.1514	54.1072	1.28842	0.00134142
ZNF525	1.03208	1.23628	0.260451	0.700253
USP24	3.20264	3.61864	0.176183	0.793038
GZF1	2.42896	2.51588	0.0507226	0.979701
SH3BGRL2	1.66181	1.71213	0.0430441	0.985782
GTSE1	10.2317	12.8162	0.324916	0.409587
DYNC2LI1	10.4357	4.83658	-1.10946	0.00134142
GFER	28.9064	25.1704	-0.199662	0.728031
TRMT1L	3.28832	2.52697	-0.379942	0.445859
ARL6IP1	66.7867	62.3936	-0.0981622	0.930269
CSDE1,NRAS	35.254	29.4667	-0.2587	0.606735
RBM34	22.3593	20.1524	-0.149924	0.844458
PRKD2	17.4239	22.3674	0.36033	0.329867
DYNC1LI2	7.95211	11.375	0.516454	0.064193
ELMOD3	4.08144	5.07663	0.314794	0.585649
CCND1	25.8854	35.1404	0.440995	0.134015
KATNAL1	0.343794	0.28872	-0.251872	1
SBK1	4.22448	5.67719	0.426404	0.240028
JAG2	16.743	26.0418	0.637274	0.010797
SFSWAP	8.92933	11.377	0.349498	0.354622
CYTH1	4.65551	5.5174	0.245049	0.700392
CCBL2,RBML1	15.2758	13.1869	-0.212144	0.748391
ACO1	14.7632	12.1387	-0.28239	0.481015
CTPS2	3.89054	2.15822	-0.850128	0.00425224
ALG14	6.47827	9.67181	0.578178	0.134521
SNRNP48	4.00487	4.67019	0.221726	0.70303
RAD51B	5.50228	1.73527	-1.66487	0.00134142
CORO1B	122.346	99.3391	-0.300535	0.430215
RXRA	15.5162	15.8627	0.0318647	0.987693
TPRXL	0.00886913	0.00536278	-0.725812	1
ECI1	148.717	132.818	-0.163124	0.81342
VASH2	0.477328	0.42644	-0.162639	0.934394
C9orf69	42.3785	71.1205	0.746933	0.00134142
ASPHD2	3.81415	7.52519	0.980366	0.00134142
MBNL2	3.18535	1.54253	-1.04615	0.00134142
HMG1	1117.31	1045.86	-0.0953386	0.939525
CYB5RL	0.500419	0.390148	-0.359116	0.739919
FAM167A	0.981067	0.442684	-1.14807	0.0101293
DPP8	0.889615	0.762004	-0.223383	0.832662
DCAF17	1.70888	1.56816	-0.123982	0.965148

LRFN4	41.6529	73.1674	0.812783	0.00134142
ZFYVE9	2.74556	2.53854	-0.113105	0.928902
ARL2.SNX15	163.265	147.215	-0.149293	0.849892
PPP1R8	20.2563	24.006	0.245024	0.599972
C1orf52	15.2327	12.0057	-0.343455	0.321414
CAMK2N2	61.3099	57.2127	-0.0997833	0.964523
ATXN7L3	16.56	23.0762	0.478701	0.0796329
B3GALT6	14.074	28.3161	1.00859	0.00134142
ATXN3	1.73356	0.837896	-1.0489	0.00134142
EIF3C,EIF3CL	1.19747	1.05989	-0.176074	0.912153
C5orf55	3.09581	2.619	-0.241301	0.826331
R3HDM1	4.18049	3.63355	-0.202294	0.753148
COPB1	20.8257	15.2797	-0.446749	0.125756
ACAT1	49.2823	41.5258	-0.247064	0.585061
FAM53B	6.43095	8.91291	0.470864	0.124106
LIN7C	5.75786	6.91319	0.263819	0.558934
STOML2	296.027	335.584	0.180948	0.775689
DAG1	11.2324	15.3645	0.451944	0.114012
ANKRD28	3.94589	3.1746	-0.313774	0.431455
DECR1	115.947	89.2706	-0.377214	0.235468
STAT6	32.3862	35.2123	0.120702	0.942472
MPRIP	7.80952	8.94703	0.196175	0.721145
ZCCHC14	2.59469	2.57287	-0.0121846	0.995974
STK32C	9.2067	6.04979	-0.6058	0.0897447
CENPB	41.0288	74.2218	0.855206	0.00134142
DCAF7	28.5565	20.237	-0.496823	0.283711
AGGF1	4.09993	3.9679	-0.0472243	0.979701
C6orf141	1.51635	1.18285	-0.358343	0.74078
SNAPC1	5.7002	5.30863	-0.102673	0.937765
ASF1B	35.733	38.9002	0.122521	0.896032
MYH9	62.0736	61.4711	-0.0140717	0.994615
YWHAZ	244.61	282.365	0.207077	0.742569
PPP1R26	16.6158	21.4391	0.367691	0.264199
OGFRL1	14.0804	11.2491	-0.323879	0.431146
SLC7A6	4.90514	8.90591	0.860469	0.00337323
EXOG	3.54704	4.64706	0.389701	0.341373
GPR25	0.0481576	0	#NAME?	1
WDR31	0.342767	0.05981	-2.51877	1
NDEL1	5.1012	7.00073	0.456669	0.217352
CCL5	1.33591	1.75424	0.393023	0.688221
SPRY2	6.64356	6.53497	-0.0237771	0.991884
GPR153	5.73785	6.90365	0.26685	0.638558
PMM1	59.9609	33.434	-0.842707	0.00134142
POLK	1.3112	0.992693	-0.401473	0.782305
LOC399744	2.01813	1.02375	-0.979153	0.00509212
LRPAP1	16.0883	20.5555	0.353511	0.287977
DUS3L	41.0483	55.2509	0.428675	0.17761
VWA1	4.56037	4.27679	-0.0926223	0.955327
CCDC28B	9.38822	7.31707	-0.359585	0.557773
RBM7	11.1104	9.23704	-0.266404	0.598176
COPS6	160.896	188.183	0.226011	0.648914
KCMF1	10.1831	7.8982	-0.366583	0.262111
CNNM2	3.32022	1.02348	-1.6978	0.00134142
FKBP7	1.43445	1.00337	-0.515642	0.898711
TGDS	5.49456	5.4742	-0.00535478	0.99714
GGT3P	0.164587	0.177087	0.105602	1
TMEM168	4.01482	4.66388	0.216194	0.730282
FPGS	126.092	139.293	0.143645	0.855766
FNDC3B	1.96468	2.00304	0.0278935	0.990324
CPSF2	6.38209	5.99779	-0.0895982	0.944284
GATA6	2.93668	2.68231	-0.130707	0.926446
RUNDC3A	0.978893	0.50851	-0.944876	0.183686
GRAMD4	8.92029	8.72405	-0.0320922	0.987693
NEURL4	3.3964	5.78935	0.769392	0.00743393
RNF145	28.0301	31.7018	0.177587	0.785016
GAL3ST4	0.28386	0.243958	-0.218547	1
GLB1.TMPPE	32.578	24.5399	-0.408771	0.187625
SEPW1	193.7	305.566	0.657662	0.00818401
RAB1B	161.94	190.97	0.237887	0.617065
E2F6	7.76995	10.7146	0.463598	0.109152
HINT3	6.06264	3.46191	-0.808381	0.00134142
RNF5	69.6966	47.7284	-0.54624	0.0423316
SMG1	2.33128	2.72501	0.225139	0.655366
ARMC1	10.9466	10.5693	-0.0505984	0.977501
SPAG9	3.59239	3.19737	-0.168058	0.811724
ZNF789	3.51236	3.72072	0.0831401	0.978196
HBS1L	4.81376	5.09165	0.080969	0.959465
CECR7	1.1042	1.17032	0.0838951	0.977332
PCDHB9	0.382773	0.153441	-1.31881	0.036526

RWDD1	38.4727	50.5266	0.39321	0.213575
ACADSB	2.21024	1.95167	-0.179495	0.826046
RNF215	17.8786	8.52073	-1.06919	0.00134142
HEMK1	4.76499	2.77118	-0.781974	0.0270114
KRT19	0.0185368	0	#NAME?	1
PRDM10	1.16246	1.4084	0.276876	0.691366
TYW5	1.72218	1.76714	0.0371857	0.992797
TPM1	50.0183	60.8652	0.283163	0.488301
ACBD3	7.77064	8.11363	0.062314	0.970195
CBL	3.18747	2.80711	-0.183324	0.776313
PCCB	73.87	56.8083	-0.378888	0.219827
NUP98	7.58344	9.36154	0.303894	0.579666
MKRN1	45.0111	31.2637	-0.52579	0.0652056
FAM133B	13.0683	15.7972	0.273596	0.512119
BLZF1	1.0937	0.906951	-0.270118	0.80896
BACH1	2.59344	1.47315	-0.815962	0.00337323
ACTR5	5.0776	8.20698	0.692704	0.0194494
PEA15	101.19	107.817	0.0915135	0.938194
PHF17	7.21074	7.80354	0.113981	0.916337
CARD8	2.69916	1.81272	-0.574351	0.676575
TMCO3	9.42252	5.72729	-0.718261	0.00818401
FAM21A,FAM21B	1.80535	1.41286	-0.353665	0.487792
NET1	7.62309	10.1015	0.406121	0.202966
LINC00674	2.52445	2.17052	-0.217924	0.699367
SORD	40.2371	29.8201	-0.432241	0.144603
DDX6	12.0535	12.9485	0.103329	0.923469
C9orf16	365.151	409.151	0.164141	0.815706
LOC100505783	1.22625	0.345381	-1.82799	0.00509212
CTU2	17.1613	47.6013	1.47184	0.0150729
AGBL3	0.0809968	0.0849318	0.0684398	1
NRIP1	0.502494	0.445693	-0.173058	0.895479
TGFBRAP1	1.39272	1.94289	0.480298	0.347324
RRP7B	4.75884	8.66657	0.86485	0.00593755
TAF10	135.213	159.859	0.241569	0.885828
PITPNA	16.2149	23.3799	0.527948	0.0569429
PSMB9	14.1915	11.5921	-0.291887	0.612792
LOC96610	2.58523	3.46734	0.423538	0.385863
ACAD9	12.1663	13.5238	0.152614	0.845969
DOCK8	0.415903	0.426438	0.0360889	0.991767
SLC6A13	0.655344	0.20043	-1.70915	0.025628
MINA	7.80024	8.97518	0.202421	0.739205
LMAN1L	0.0135363	0.0306828	1.1806	1
OGFOD2	8.82331	8.46176	-0.0603617	0.977626
YEATS2	11.9455	7.50835	-0.669895	0.009453
GBF1	6.22511	5.88831	-0.0802454	0.95534
OXER1	0.0150404	0.0104069	-0.531311	1
PAPSS1	15.0728	11.3658	-0.407249	0.194581
SLC12A9	25.1807	36.0865	0.519142	0.0599768
LAMP2	12.8277	9.78655	-0.390391	0.228416
C1orf216	8.10107	17.4866	1.11007	0.00134142
PTK2	26.0269	23.4503	-0.150397	0.836371
NOTUM	4.18436	1.60238	-1.38479	0.00134142
CHMP3,RNF103,RNF103-C1	22.7969	20.178	-0.176053	0.862445
HIPK2	1.66714	1.96267	0.235439	0.66067
DUSP7	25.8881	54.1806	1.06549	0.00134142
FAM84B	6.42703	4.06755	-0.659993	0.0162707
LARP7	8.15568	8.92209	0.129576	0.909164
PPP4R2	3.83046	4.0919	0.0952519	0.958104
ATP6AP1L	1.00721	0.579177	-0.798294	0.463889
ADAM9	10.4754	5.60193	-0.903006	0.00134142
RMND5B	19.502	17.193	-0.181802	0.797603
KITLG	0.149201	0.271465	0.863512	1
LOC100506233	4.37139	4.19854	-0.0582043	0.985283
ARAP2	0.593115	0.810337	0.450211	0.33045
ABI2	8.20677	6.12797	-0.421404	0.159174
SMYD4	2.04299	1.84955	-0.143509	0.909016
RWDD4	9.11631	11.735	0.364292	0.293861
MAK	0.0724725	0.0554406	-0.386491	1
NME1,NME1-NME2,NME2	1776.35	2196.31	0.306163	0.474273
XYLT2	16.4106	19.273	0.231951	0.648914
STAB1	0.00286491	0.00378544	0.401971	1
ANGEL1	6.63786	4.68732	-0.501954	0.112094
ATG12	9.9054	7.19437	-0.461348	0.118443
CHD6	1.17331	0.694499	-0.756537	0.0183825
IFT80	2.06271	1.07431	-0.941137	0.00134142
PEX12	1.31108	0.900814	-0.541457	0.3163
CYFIP2	9.74957	6.80212	-0.519354	0.0504457
ATRN	3.53702	3.09577	-0.192237	0.805942
ECI2	33.5519	26.7959	-0.324382	0.380929

CNPPD1	45.7069	27.6562	-0.724808	0.00134142
RPS6KA5	0.328663	0.239554	-0.456259	1
SNRPD2	607.991	739.671	0.282833	0.474762
CNOT8	27.3047	19.561	-0.481173	0.0891066
ARMCX3	8.33363	6.68092	-0.318898	0.425127
HELZ	1.87908	1.19889	-0.648324	0.0172978
LRCH4	11.9104	15.1605	0.348102	0.359221
STRN	1.00617	0.754399	-0.415472	0.259411
BSND	0.0147237	0	#NAME?	1
FLOT2	36.4288	28.9995	-0.329054	0.345568
EXOC2	4.12509	3.34206	-0.303685	0.514922
PTTG1IP	84.185	82.335	-0.0320579	0.987334
TRIM11	20.5191	26.9804	0.394944	0.215245
DOCK1	5.52381	4.05539	-0.445821	0.138263
FAM110C	1.31386	0.989737	-0.40869	0.476521
VCP	56.9188	93.3533	0.713796	0.00425224
AGAP9	0.122387	0.05231	-1.22629	1
GUSB	27.5951	24.397	-0.177709	0.786575
RASA3	13.2489	11.207	-0.241476	0.618093
HEATR5A	0.717518	1.04161	0.537725	0.173569
MEGF8	1.3834	1.79947	0.379351	0.38116
NAPEPLD	2.1926	2.66447	0.281208	0.922006
GNE	2.16845	2.05654	-0.0764434	0.967901
PGAM1	490.422	515.451	0.0718105	0.961551
CD300C	0.0127255	0.035352	1.47406	1
PMPCB	27.1417	19.3833	-0.485696	0.327733
CHMP6	14.8315	26.3777	0.830654	0.00593755
SLC2A4RG	57.2329	42.5943	-0.426184	0.179301
FAM208A	4.67373	4.5476	-0.039471	0.985921
SETDB2	1.07282	0.514472	-1.06025	0.00134142
SP3	5.66444	4.44078	-0.351121	0.301426
P2RY11,PPAN,PPAN-P2RY	43.6995	81.1047	0.892169	0.246526
CDKL1	0.917048	1.37938	0.588947	0.392999
ATP6V0E1	213.362	269.808	0.338628	0.317107
MRPL23	111.7	123.175	0.141076	0.862869
ARHGAP39	5.34696	9.66512	0.854071	0.00337323
BANP	6.07157	6.60154	0.120731	0.933417
PRKAG2-AS1	18.5161	13.1311	-0.495791	0.701167
B4GALT4	5.41141	4.9099	-0.140312	0.898626
PKDCC	7.14397	9.67992	0.438269	0.25971
MYNN	2.31161	2.23987	-0.0454847	0.981044
NR1D1	8.00804	12.4038	0.631257	0.175144
NGRN	62.0386	81.7814	0.398606	0.19325
SEPT10	14.9593	10.2277	-0.54856	0.0436049
STAC3	0.684519	0.33722	-1.0214	0.16323
TANGO2	11.1167	10.7915	-0.0428292	0.981753
C11orf73	28.8919	29.1573	0.0131907	0.995221
GATAD1	13.4671	8.66176	-0.636712	0.010797
FAM216A	30.8364	20.8472	-0.564781	0.247003
ZNF76	9.42548	7.27987	-0.372653	0.350008
ANGEL2	5.13482	5.54402	0.110619	0.920028
ZZZ3	3.04669	2.11252	-0.528276	0.100814
HDDC3	18.6574	12.6708	-0.558234	0.782228
LZTR1	11.8932	15.6402	0.395127	0.21876
SEPN1	72.9312	59.7862	-0.286724	0.469309
SNX12	17.9888	18.7414	0.0591263	0.972386
SNX2	26.6623	16.7908	-0.667134	0.00593755
ELP2	26.6078	14.1829	-0.907697	0.00134142
GNRH2	0.075757	0.266109	1.81257	1
CEPT1	11.6701	11.1853	-0.0612112	0.980177
WDR13	32.7989	30.3868	-0.110201	0.919029
ETS2	6.70643	7.77605	0.213493	0.716439
NCSTN	23.4038	14.6804	-0.672851	0.205713
LOC100129148	1.83673	2.44767	0.41427	0.985921
PPM1D	2.14768	1.91036	-0.168936	0.867513
TMEM117	0.919325	0.894469	-0.0395436	0.98972
CTNNBIP1	8.23425	7.32884	-0.168054	0.83461
C8orf59	148.457	142.88	-0.0552373	0.974169
FAM169A	2.22029	2.56805	0.209925	0.753312
BOK	57.693	71.5679	0.310915	0.394904
PML	13.2837	11.8744	-0.161795	0.860832
UBE2Q2	11.5657	10.3965	-0.153759	0.837677
SEMA4F	4.21765	3.14294	-0.424326	0.229068
WAC	23.6933	18.8735	-0.328121	0.358376
SMC3	9.52553	11.6236	0.287182	0.468312
PRDX4	221.628	288.958	0.382723	0.237032
VPS18	14.0935	21.9748	0.640823	0.0145499
PPP1R37	10.7435	11.2266	0.063446	0.972989
NDUFAF4P1	0.0291731	0.0340519	0.223096	1

TRAPPC2L	79.3591	104.996	0.403863	0.211458
KXD1	142.928	123.996	-0.204994	0.711487
SERAC1	3.20488	3.6163	0.174244	0.836371
MRPL37	184.928	173.568	-0.0914635	0.942534
TCERG1	10.3473	10.8445	0.0677102	0.963219
YTHDF1	17.7739	22.4539	0.337208	0.325034
ACAD8	13.8118	18.2782	0.404221	0.215748
CKAP5	13.9757	12.7903	-0.127873	0.88826
USP15	3.51653	3.77294	0.101538	0.959465
THOC3	17.5547	15.2502	-0.20303	0.747687
RNF216P1	11.8122	15.6909	0.409657	0.227422
PICK1	17.0931	15.7946	-0.113983	0.922365
SBNO2	13.563	19.362	0.513557	0.066512
CEBPZ	8.10898	11.0385	0.444946	0.342317
GLT8D1	15.7507	14.4718	-0.122162	0.987235
CAMTA1	62.9127	60.3452	-0.0601112	0.972601
ATMIN	3.89126	4.38809	0.173357	0.822284
MSX1	21.5045	40.9477	0.929143	0.00134142
TIRAP	1.97059	1.98005	0.00691305	0.997535
ZNF641	2.33637	1.66708	-0.486944	0.208695
IKZF4	1.15198	1.03591	-0.15322	0.912767
CDKN2D	10.5639	8.4294	-0.325648	0.582397
DHRS7	55.3868	38.9569	-0.507664	0.064193
DNLZ	89.8225	198.85	1.14653	0.00134142
MGAT2	16.1573	21.0478	0.381486	0.244216
C6orf62	28.6527	21.7824	-0.395511	0.371065
IL17RE	0.619757	0.768486	0.310316	0.824676
DHX40	6.18486	3.60595	-0.778361	0.00425224
TSPAN17	26.5914	34.6218	0.380721	0.238089
F2R	0.905288	0.27181	-1.73578	0.00134142
SGSM3	16.4368	13.9527	-0.23638	0.759977
FZD2	5.77964	3.65386	-0.661559	0.0523239
FAM222B	5.10682	4.81741	-0.0841689	0.956033
TNNI3	8.78613	6.14069	-0.516827	0.337663
LRP3	36.5727	47.033	0.362904	0.257615
ATP5H	294.531	301.724	0.0348105	0.984917
LOC642846	3.49065	4.43336	0.344904	0.472765
RFC5	14.2694	15.0773	0.0794543	0.95534
RPP21,TRIM39,TRIM39-RP1	166.136	176.464	0.0870109	0.961224
PITX2	8.48255	13.6346	0.684708	0.0183825
WDR59	11.721	9.85113	-0.250729	0.612792
UBTD2	6.67244	6.89634	0.0476177	0.979701
HLA-C	671.363	751.111	0.161934	0.828583
SUPT4H1	37.549	41.0322	0.127983	0.887701
DAP3	81.7873	70.7437	-0.209275	0.700075
BBS7	2.71468	2.47912	-0.130958	0.916838
DRAP1	526.56	735.614	0.482351	0.0920155
GPATCH8	4.87406	4.30591	-0.178806	0.787871
UBXN1	148.258	112.049	-0.403981	0.183567
DAB2IP	6.39914	8.48915	0.407742	0.217848
C12orf29	4.39878	5.62883	0.355732	0.461971
PCDHB2	2.60997	1.93484	-0.431818	0.448586
SHROOM1	8.72174	8.8769	0.025441	0.991614
FAM58A	38.4752	61.4491	0.675462	0.0120701
JMY	1.56727	0.974276	-0.68585	0.0314167
CREG1	39.1932	29.0801	-0.430569	0.144914
HBP1	5.28271	2.33597	-1.17726	0.112365
LOC375295	22.1683	21.0441	-0.0750789	0.962215
CRLF3	5.74496	6.19384	0.108538	0.930464
ITM2B	51.6139	38.1783	-0.435009	0.127236
OS9	64.434	60.4633	-0.0917623	0.93954
ABI1	16.0041	11.5543	-0.470016	0.182316
POC5	3.82559	3.30647	-0.210391	0.807267
YAP1	10.2299	9.01751	-0.181988	0.770865
NDUFS4	73.1409	74.5866	0.0282381	0.988154
HOMER1	0.882113	1.23783	0.488777	0.293988
RFXPAP	2.55841	2.12241	-0.269543	0.710284
DGKE	1.96215	3.06839	0.645047	0.0167292
QRICH1	18.4823	20.6251	0.158256	0.826046
DCUN1D3	2.06336	2.90744	0.494755	0.622225
B3GALNT1	6.15479	8.91316	0.534229	0.0605453
GEMIN6	31.814	46.0934	0.5349	0.0648441
PSMG3-AS1	0.310532	0.245827	-0.337099	1
CACNA1H	0.0036101	0.00309318	-0.222948	1
HEXA	52.0712	38.3448	-0.441453	0.128341
DDX24	36.2938	46.8667	0.36884	0.26155
AMFR	31.5723	26.9563	-0.228035	0.643892
AP2A1	26.8871	20.8275	-0.368422	0.282494
ARHGEF35	1.8142	1.37575	-0.399119	0.509077

METTL22	7.02441	5.82189	-0.270889	0.69673
ESRP2	11.0754	21.9258	0.985268	0.00134142
ZNF22	9.93134	9.83496	-0.0140698	0.994859
ALKBH1	4.42198	4.74985	0.103188	0.943861
KIF18B	10.4499	13.2602	0.343617	0.342995
STX6	6.14384	7.92055	0.366461	0.287787
SPDYA	0.0992747	0.211348	1.09012	1
ZBED3	0.871444	0.888682	0.0282599	0.996631
PTRF	61.6011	101.156	0.715558	0.00337323
CHTOP	56.08	62.1932	0.14927	0.948194
LOC728190	19.88	21.8798	0.138277	0.91759
SESTD1	0.430223	0.408719	-0.0739777	0.974169
ACPF6	16.1802	10.0342	-0.689307	0.0156972
DGCR14	4.56144	5.46433	0.260554	0.624281
LOC100130894	0.0782598	0.142102	0.860583	1
OBSL1	12.9686	11.5685	-0.164828	0.834801
TRAP1	168.786	146.362	-0.205657	0.716439
ZFP41	4.70827	4.12398	-0.191157	0.841061
TRIM8	35.2221	26.6787	-0.400792	0.202476
PCMTD2	5.05701	3.00766	-0.749643	0.00672555
NHLRC3	2.80371	1.75358	-0.677036	0.0439989
KNTC1	1.85774	0.907228	-1.03401	0.00134142
CRYZ	16.4672	18.5114	0.168826	0.918898
TBC1D10B	24.6533	29.332	0.250697	0.585471
SLC35A1	6.63462	5.51578	-0.266449	0.648194
WNT2B	0.890444	0.533466	-0.739129	0.24199
CCDC93	4.41786	3.72656	-0.245502	0.612792
SATL1	0.402354	0.37258	-0.110915	0.991767
ZMAT2	33.0567	43.4191	0.393386	0.213335
ACAA1	38.0335	37.9006	-0.0050498	0.99714
VTI1B	70.8512	73.7991	0.0588105	0.979733
STYX	3.1041	3.03207	-0.0338708	0.987693
BLOC1S1,RDH5	115.131	117.693	0.0317512	0.987693
CSTF2T	4.81228	5.79897	0.269075	0.557793
HNRNPA0	50.1034	71.1486	0.505927	0.0671701
FBXO30	4.11647	4.4127	0.100252	0.951702
PRKCI	7.54765	6.40076	-0.237783	0.635182
MTIF3	31.9202	19.3268	-0.723867	0.536731
SPDYE7P	1.16904	1.12061	-0.0610378	0.979701
KAT6A	3.41771	3.56409	0.0605071	0.970558
MARVELD1	14.9103	19.6264	0.396481	0.229241
ZNF142	2.94383	4.49907	0.611934	0.0407579
PI4KAP2	12.9784	13.0681	0.00992805	0.996631
PPP1R10	12.1266	9.84474	-0.300745	0.453509
CSNK2A3	0.204299	0.144553	-0.499084	1
RBM33	3.99395	2.56739	-0.637513	0.0205623
ZNF23	7.56084	4.41148	-0.777284	0.00243047
C12orf43	6.02205	11.5054	0.933991	0.00134142
NR2C2	1.37159	1.27068	-0.110249	0.986822
MTIF2	14.7329	11.9753	-0.298978	0.458817
HMGXB4	4.66915	3.05134	-0.613715	0.0386414
GTF2IRD1P1	8.74816	8.93049	0.0297584	0.991767
CDAN1	5.08772	5.52129	0.117986	0.918153
PDGFRL	5.29583	3.77245	-0.489355	0.249512
COL4A4	0.0132875	0.0241252	0.860468	1
CXCL16	44.5439	51.6798	0.214373	0.753148
SERP1	44.9165	46.169	0.0396784	0.982497
LHFPL2	2.51084	3.37605	0.427171	0.237644
CEP250	9.52771	7.7924	-0.290062	0.460263
SCMH1	13.3319	11.6512	-0.194411	0.766627
ANKFY1	3.8486	5.31219	0.464974	0.10637
CLEC11A	225.261	234.799	0.0598314	0.970195
APOBEC3C	15.1681	7.03288	-1.10886	0.00134142
TSPAN33	28.8444	23.917	-0.27026	0.519452
SAP130	6.88523	6.57354	-0.0668339	0.966946
NLE1	32.2188	38.4301	0.254334	0.5728
PRAP1	0.0318145	0.0525751	0.724693	1
TCTN3	22.3978	19.3009	-0.214683	0.680196
RMDN1	8.80859	5.54834	-0.666854	0.0150729
ACOT13	7.27122	4.7725	-0.60745	0.43694
BOLA1	0.257822	0.161627	-0.67371	1
PTPMT1	17.8322	20.8098	0.222776	0.891839
B3GNT1	12.2453	17.4393	0.510113	0.112939
MATR3	39.48	36.9622	-0.0950712	0.937255
C15orf57	20.1067	19.0539	-0.0775881	0.95534
FAF1	28.0756	17.8316	-0.654878	0.0126858
REXO1	16.6837	18.2997	0.133383	0.879021
STRIP2	3.29152	4.20089	0.351941	0.415077
KIAA0040	2.00578	1.44673	-0.471369	0.244643

SH3RF2	0.549917	0.0622669	-3.14268	0.0120701
SS18	13.9227	14.962	0.103862	0.921047
ARHGAP5-AS1	2.14885	2.27398	0.0816596	0.979316
UBR4	5.76937	3.92311	-0.556416	0.0318033
ZDHHC12	78.6873	71.4206	-0.139791	0.966203
DCTN2	62.0752	47.1985	-0.395276	0.310137
HSF2	6.06613	5.09742	-0.251009	0.649163
INSR	2.97487	2.3626	-0.332452	0.40453
EBAG9	17.1923	16.3214	-0.0749914	0.961
SARNP	43.4843	54.8667	0.335436	0.482666
CDK20	7.9124	8.36903	0.0809451	0.96103
ZC3HAV1L	1.83235	1.22438	-0.581636	0.326673
FAM126A	0.0188381	0.00471747	-1.99757	1
TGFB1	99.5092	128.936	0.373754	0.255519
TUBB2B	0.864624	2.07511	1.26304	0.00672555
C19orf73	2.75443	2.8732	0.060902	0.992797
OXSRI	8.43655	9.93454	0.2358	0.630611
ADAM8	0.779226	0.822333	0.0776816	0.979701
SERF1A	0.108799	0.162973	0.582963	1
DCTN3	98.6453	97.9548	-0.0101344	0.996453
LOH12CR1	4.381	3.90026	-0.167691	0.881073
LSM12	61.0559	66.0591	0.113627	0.909768
VPS53	2.66603	3.84537	0.52843	0.0481547
TUBGCP2	22.2195	19.4239	-0.193993	0.80896
MRPL40	77.5895	71.3582	-0.120782	0.900578
KLHL12	9.92496	5.14536	-0.947788	0.00134142
IMP4	133.946	184.562	0.462457	0.101333
AACS	9.09897	10.9284	0.264302	0.582968
CATSPER2P1	0.391496	0.15524	-1.33449	0.140867
FZD6	8.67378	5.05369	-0.779323	0.00425224
TSC1	4.21568	3.38336	-0.317309	0.429593
EPN1	98.566	96.2242	-0.03469	0.986107
C1RL	3.96051	1.40217	-1.49802	0.00134142
SLC16A7	0.185346	0.12918	-0.520847	1
HADHB	64.8084	55.5637	-0.222039	0.665381
GTF2A1	3.26844	2.64326	-0.306286	0.485249
ANKRA2	2.70798	1.07156	-1.3375	0.00134142
PCSK4	1.00184	0.356722	-1.48978	0.030994
USP31	1.64501	2.38633	0.536703	0.070203
STK17B	2.66078	1.876	-0.504192	0.138076
C3orf18	6.45684	4.04791	-0.67365	0.3074
SNPH	1.40751	1.57936	0.166196	0.898291
PPA2	39.5751	30.1753	-0.391224	0.217848
ADORA2B	30.704	25.705	-0.256375	0.563967
PSMF1	34.4871	29.9225	-0.204825	0.703377
DNAJC25,DNAJC25-GNG1C	104.457	113.692	0.122234	0.907651
SMARCAL1	7.13222	4.79766	-0.572018	0.0652056
EME1	2.30539	1.38259	-0.737635	0.938194
LOC100506124	0.343854	0.297535	-0.208739	1
MUT	5.92808	3.75558	-0.65853	0.0172978
CD99L2	6.59639	4.55675	-0.533672	0.0997646
CCDC88B	5.17128	2.68456	-0.945836	0.00337323
FNTA	55.0667	29.2928	-0.910633	0.00134142
WASF2	18.2628	9.56925	-0.93243	0.00134142
HIBCH	2.55109	3.17712	0.316609	0.630681
TNKS2	3.21596	2.48641	-0.371188	0.310315
INF2	40.4219	47.7332	0.239856	0.729849
PHB2	465.475	455.548	-0.0311023	0.987693
CHPT1	14.7277	16.263	0.143061	0.876899
CRYBB2P1	21.7768	23.5333	0.111913	0.919029
MLL2	2.00695	3.08508	0.6203	0.0194494
SENP6	4.62294	5.1051	0.143129	0.854644
YJEFN3	3.67083	3.50003	-0.0687397	0.986353
REEP3	3.89516	3.3729	-0.207696	0.737796
MED7	7.88493	7.78391	-0.018602	0.994615
SLC50A1	40.7756	25.0036	-0.705571	0.00743393
TNKS	3.50324	1.3462	-1.3798	0.00134142
ZBTB17	12.18	11.8817	-0.0357697	0.987693
RTTN	0.837484	0.554569	-0.594694	0.145048
SLC29A3	7.28561	5.87159	-0.311297	0.560168
HERC6	3.09315	2.02324	-0.612409	0.0640789
DDX28	15.8862	17.8129	0.165143	0.909016
SAMM50	22.505	25.8492	0.199874	0.726892
THAP1	6.31955	6.32948	0.00226391	0.998644
CHDH	4.47167	5.06204	0.178907	0.833086
STK11IP	2.41526	2.80528	0.215969	0.81342
RPGRIP1L	0.272786	0.30098	0.1419	1
LZTFL1	2.74959	1.8307	-0.586821	0.0857334
DDX12P	3.15652	3.96289	0.328216	0.519111

MROH7, TTC4	13.9737	17.9788	0.363585	0.281574
APP	78.8447	63.4164	-0.314157	0.407645
CHST12	10.0135	18.2905	0.869141	0.00243047
CDC42SE1	32.4622	43.1631	0.411036	0.187625
PHTF1	1.67657	2.20426	0.394778	0.408804
KIAA1199	0.0950015	0.0568441	-0.74094	1
SCAMP5	22.6287	24.8711	0.136316	0.863458
DPF2	27.5584	21.6234	-0.349903	0.299618
FOXK2	18.0275	22.8142	0.339731	0.325034
KIAA1549L	1.26146	0.809407	-0.640162	0.0410573
MIIP	35.6313	36.8789	0.0496519	0.978196
TOR4A	54.6421	74.3408	0.444142	0.12699
TMEM184B	19.6696	27.8563	0.502035	0.0691409
STAG3L4	6.72352	4.76238	-0.497534	0.156549
SLC51A	0.117301	0.182182	0.635167	1
ZFYVE26	1.63788	1.84606	0.172617	0.837238
LYRM4	21.6913	31.0981	0.519708	0.0637115
TTPA	0.310394	0.373281	0.266162	0.886887
HSD17B1	26.8106	29.6766	0.146522	0.855981
HCCS	11.5093	15.4639	0.426099	0.175545
SDHD	54.5602	46.94	-0.217033	0.67146
FOXK1	7.71229	7.13236	-0.112779	0.909016
C9orf142	151.561	227.318	0.584813	0.025628
CASKIN2	4.769	6.38085	0.420063	0.670511
DYNLRB1	178.456	187.651	0.0724775	0.958104
FERMT1	4.88903	7.27012	0.572432	0.0489893
SNHG15	148.768	199.329	0.422091	0.151522
MCPH1	3.23385	3.15812	-0.0341886	0.987868
GNAS	461.718	434.039	-0.0891867	0.947247
BCL9L	5.28547	5.53989	0.0678248	0.966946
FAM20B	7.65782	8.29097	0.114608	0.908432
TRMT12	4.94813	8.24361	0.736393	0.00882987
TOX4	10.5775	10.0211	-0.0779578	0.971853
GSTP1	985.72	1251.02	0.34386	0.34496
SPR	75.8744	115.797	0.609909	0.0172978
XPO4	2.3613	3.08394	0.385195	0.247378
MYEOV2	232.117	379.782	0.71032	0.00337323
WASL	9.47347	7.92096	-0.258218	0.568186
CCNF	9.59458	15.2729	0.670684	0.010797
KIAA0146	8.61469	6.68086	-0.366764	0.307051
IVD	15.9014	18.0068	0.179391	0.773928
SAMD5	0.59918	0.88672	0.565489	0.173927
C11orf49	17.7934	10.4692	-0.765193	0.325034
TSEN2	5.30562	6.64934	0.325692	0.509306
JOSD1	21.5632	17.3765	-0.311438	0.403093
FBXO22-AS1	43.5036	53.5961	0.300994	0.812317
PTPN21	1.43743	1.08158	-0.410355	0.373076
UQCRCQ	110.247	136.947	0.312877	0.405147
AP2M1	207.193	201.934	-0.0370873	0.984692
ELF1	6.88014	4.32055	-0.671223	0.0132924
COX6B1	355.54	410.445	0.207175	0.70199
ANKRD39	20.8827	36.5886	0.809084	0.00672555
FAM64A	17.8459	23.6208	0.404465	0.264053
PAIP1	33.5753	29.4653	-0.188382	0.746908
SVIL	1.74495	1.8895	0.114815	0.931471
TECPR2	0.694088	0.878574	0.340046	0.595117
B4GALT2	43.3077	55.8903	0.367973	0.263143
CDC5L	5.42328	4.8257	-0.168426	0.806781
ISYNA1	4.93011	5.97827	0.278109	0.954559
RFX2	3.05939	2.23286	-0.45435	0.30413
SEMA6B	16.8561	12.9321	-0.382314	0.286255
SLC26A2	1.22225	1.38162	0.176822	0.843587
POMGNT1	30.278	31.4984	0.0570109	0.97314
AOC2	2.15363	4.27616	0.989544	0.00243047
RAB3GAP2	3.02431	1.869	-0.694342	0.0167292
HDGFRP2	37.712	36.6128	-0.0426757	0.980704
CTDSPL2	2.61825	1.70942	-0.615092	0.0551188
BBX	2.32269	1.54807	-0.585326	0.0569429
GANAB	91.0409	77.6781	-0.229008	0.642966
PPDPF	575.338	505.076	-0.187911	0.758132
NCOA6	3.75315	4.34398	0.210915	0.759487
ARSK	1.01553	0.83036	-0.290418	0.742569
GOLGA7	31.5109	29.8705	-0.0771324	0.954188
PHIP	2.19484	1.73765	-0.336978	0.374085
SLC16A1	33.8929	49.7861	0.554761	0.0278845
LOC400657	2.62219	1.94416	-0.431624	0.330501
DSCR3	15.2249	9.95068	-0.613568	0.0227017
ENTPD4	3.84063	3.76545	-0.0285205	0.989365
PALLD	4.81775	2.96172	-0.701921	0.0120701

ITGAV	2.50178	2.26082	-0.146112	0.873862
SCAF8	6.68343	5.39488	-0.308998	0.432218
ZFHx3	1.05776	1.09199	0.0459383	0.982907
FAM115A	8.54423	3.32821	-1.36021	0.00134142
CXorf57	1.67852	0.753173	-1.15614	0.00134142
LINC00235	0	0.521858 inf		0.00509212
SNAR-F	0	20.4955 inf		0.0139368
MIR221	0	15.3414 inf		0.130354
SNORD99	0	106.764 inf		0.482631
RNU4ATAC	0	11.5605 inf		0.510424
SNORD57	0	397.359 inf		0.530543
DDX11L1	0	0	0	1
OR4F5	0	0	0	1
OR4F3	0	0	0	1
LOC254099	0	0	0	1
MIR200B	0	0	0	1
MIR200A	0	0	0	1
MIR429	0	0	0	1
TTL10	0	0	0	1
TMEM88B	0	0	0	1
MMP23A	0	0	0	1
GABRD	0	0	0	1
ACTRT2	0	0	0	1
MIR4251	0	0	0	1
CCDC27	0	0	0	1
LOC728716	0	0	0	1
LOC284661	0	0	0	1
AJAP1	0	0.00454787 inf		1
MIR4417	0	0	0	1
HES3	0	0	0	1
CA6	0	0	0	1
MTOR-AS1	0	0	0	1
ANGPTL7	0	0.00531477 inf		1
PTCHD2	0	0	0	1
DRAXIN	0	0	0	1
SNORA59A	0	0	0	1
AADAACL4	0	0	0	1
AADAACL3	0	0	0	1
C1orf158	0	0	0	1
PRAMEF12	0	0	0	1
PRAMEF1	0	0	0	1
PRAMEF2	0	0	0	1
PRAMEF7,PRAMEF8	0	0	0	1
PRAMEF22	0	0	0	1
PRAMEF5	0	0	0	1
PRAMEF9	0	0	0	1
PRAMEF16	0	0	0	1
PRAMEF20,PRAMEF21	0	0	0	1
PRAMEF9	0	0	0	1
PRAMEF17	0	0	0	1
PRAMEF20,PRAMEF21	0	0	0	1
PDPN	0	0.00444217 inf		1
CELA2A	0	0	0	1
CELA2B	0	0	0	1
TMEM82	0	0	0	1
C1orf64	0	0	0	1
CLCNKA	0	0	0	1
CLCNKB	0	0	0	1
MIR3675	0	0	0	1
MIR3675	0	0	0	1
PADI6	0	0	0	1
IGSF21	0	0	0	1
PAX7	0	0	0	1
HTR6	0	0	0	1
PLA2G5	0	0	0	1
PLA2G2F	0	0	0	1
UBXN10	0	0	0	1
VWA5B1	0	0	0	1
FAM43B	0	0	0	1
CELA3B	0	0	0	1
CELA3A	0	0	0	1
C1QA	0	0	0	1
C1QC	0	0	0	1
C1QB	0	0	0	1
MIR4684	0	0	0	1
MIR3115	0	0	0	1
MIR378F	0	0	0	1
LOC284632	0	0	0	1
NCMAP	0	0	0	1

MIR1976	0	0	0	1
RAB42	0	0	0	1
OPRD1	0	0	0	1
LOC149086	0	0	0	1
LOC284551	0	0	0	1
TINAGL1	0	0	0	1
HCRTR1	0	0	0	1
LCK	0	0.0060241	inf	1
HMGB4	0	0	0	1
LOC402779	0	0	0	1
C1orf94	0	0	0	1
GJB4	0	0	0	1
GJA4	0	0	0	1
MIR4255	0	0	0	1
MIR3659	0	0	0	1
MIR30E	0	0	0	1
MIR30C1	0	0	0	1
GUCA2B	0	0	0	1
FAM183A	0	0.0217859	inf	1
TMEM125	0	0	0	1
KLF17	0	0	0	1
MIR5584	0	0	0	1
SNORD38A	0	0	0	1
SNORD38B	0	0	0	1
MKMK1-AS1	0	0.00540487	inf	1
EFCAB14-AS1	0	0	0	1
CYP4B1	0	0	0	1
CYP4X1	0	0	0	1
CYP4Z1	0	0	0	1
CYP4A22	0	0	0	1
SLC5A9	0	0	0	1
ELAVL4	0	0	0	1
C1orf185	0	0	0	1
FAM159A	0	0	0	1
PODN	0	0	0	1
DMRTB1	0	0	0	1
MIR4781	0	0	0	1
MIR4422	0	0	0	1
PRKAA2	0	0	0	1
C8A	0	0	0	1
LOC100131060	0	0.0115422	inf	1
MGC34796	0	0	0	1
ANGPTL3	0	0.0117305	inf	1
UBE2U	0	0	0	1
MIR4794	0	0	0	1
MIR3117	0	0	0	1
TCTEX1D1	0	0	0	1
IL23R	0	0	0	1
PIN1P1	0	0	0	1
LHX8	0	0	0	1
SNORD45C	0	0	0	1
SNORD45B	0	0	0	1
ST6GALNAC3	0	0	0	1
ST6GALNAC5	0	0	0	1
MGC27382	0	0	0	1
PTGFR	0	0	0	1
IFI44L	0	0	0	1
IFI44	0	0.00973748	inf	1
LPHN2	0	0	0	1
DNASE2B	0	0	0	1
MIR4423	0	0	0	1
CLCA1	0	0	0	1
CLCA4	0	0	0	1
GBP6	0	0	0	1
GBP1P1	0	0	0	1
C1orf146	0	0	0	1
SNORA66	0	3.41086	inf	1
MIR760	0	0	0	1
FLJ31662	0	0	0	1
DPYD-AS1	0	0	0	1
LOC729987	0	0	0	1
LOC100129620	0	0	0	1
LPPR4	0	0	0	1
PALMD	0	0	0	1
MIR553	0	0	0	1
GPR88	0	0	0	1
VCAM1	0	0	0	1
S1PR1	0	0	0	1
DNAJA1P5	0	0	0	1

AMY2A	0	0	0	1
AMY1A	0	0	0	1
AMY1A	0	0	0	1
NTNG1	0	0	0	1
VAV3-AS1	0	0	0	1
NBPF6	0	0	0	1
MIR197	0	0	0	1
CYMP	0	0	0	1
CD53	0	0	0	1
CHI3L2	0	0	0	1
CHIAP2	0	0	0	1
CHIA	0	0	0	1
PIFO	0	0	0	1
SYCP1	0	0	0	1
TSHB	0	0	0	1
MIR320B1	0	0	0	1
CD2	0	0	0	1
MIR942	0	0	0	1
HAO2	0	0	0	1
HSD3B1	0	0	0	1
HIST2H2BA	0	0	0	1
EMBP1	0	0	0	1
GPR89C	0	0	0	1
GJA8	0	0	0	1
PPIAL4E	0	0	0	1
PPIAL4D	0	0	0	1
FCGR1C	0	0	0	1
PPIAL4B	0	0	0	1
FCGR1A	0	0	0	1
HIST2H4B	0	0	0	1
HIST2H3C	0	0	0	1
MIR4257	0	0	0	1
MIR554	0	0	0	1
RIAD1	0	0	0	1
LOC100132111	0	0	0	1
CRCT1	0	0	0	1
LCE3C	0	0	0	1
LCE3B	0	0	0	1
LCE2D	0	0	0	1
LCE2C	0	0	0	1
LCE2B	0	0	0	1
LCE2A	0	0	0	1
LCE4A	0	0	0	1
C1orf68	0	0	0	1
KPRP	0	0	0	1
LCE1D	0	0	0	1
LCE1A	0	0	0	1
LCE6A	0	0	0	1
SMCP	0	0	0	1
IVL	0	0	0	1
SPRR4	0	0	0	1
SPRR1A	0	0	0	1
SPRR3	0	0	0	1
SPRR1B	0	0.0311998	inf	1
LELP1	0	0	0	1
LOR	0	0	0	1
S100A9	0	0	0	1
S100A7A	0	0	0	1
AQP10	0	0	0	1
TDRD10	0	0	0	1
MIR4258	0	0	0	1
MIR92B	0	0	0	1
RHBG	0	0.0257381	inf	1
TTC24	0	0	0	1
CYCSP52	0	0	0	1
CD1A	0	0	0	1
CD1C	0	0	0	1
CD1E	0	0	0	1
OR10K1	0	0	0	1
OR10R2	0	0	0	1
OR10Z1	0	0	0	1
OR6K6	0	0	0	1
MNDA	0	0	0	1
PYHIN1	0	0.00396189	inf	1
CADM3	0	0	0	1
DARC	0	0	0	1
FCER1A	0	0	0	1
OR10J1	0	0	0	1
APCS	0	0	0	1

FCRL6	0	0	0	1
SLAMF8	0	0	0	1
LOC100505633	0	0	0	1
ATP1A4	0	0	0	1
VANGL2	0	0	0	1
LY9	0	0	0	1
PCP4L1	0	0	0	1
FCGR2A	0	0.00349531	inf	1
MIR4654	0	0	0	1
MIR556	0	0	0	1
LRRCS2	0	0	0	1
FMO9P	0	0	0	1
DUSP27	0	0	0	1
MIR557	0	0	0	1
LINC00626	0	0	0	1
METTTL11B	0	0	0	1
PRRX1	0	0	0	1
MROH9	0	0	0	1
FMO3	0	0	0	1
MIR1295B	0	0	0	1
FMO6P	0	0	0	1
FMO2	0	0	0	1
FMO1	0	0	0	1
MIR3120	0	0	0	1
FASLG	0	0	0	1
LOC730159	0	0	0	1
TNN	0	0	0	1
FAM5B	0	0	0	1
TEX35	0	0	0	1
MIR4424	0	0	0	1
GM140	0	0	0	1
CACNA1E	0	0	0	1
LINC00272	0	0	0	1
RGSL1	0	0	0	1
LOC284648	0	0	0	1
HMCN1	0	0	0	1
LOC440704	0	0	0	1
RGS18	0	0	0	1
RGS21	0	0	0	1
RGS1	0	0	0	1
RGS13	0	0	0	1
MIR1278	0	0	0	1
CFH	0	0.00200944	inf	1
CFHR3	0	0	0	1
CFHR1	0	0	0	1
CFHR4	0	0	0	1
CFHR2	0	0	0	1
CFHR5	0	0	0	1
CRB1	0	0	0	1
LHX9	0	0	0	1
IGFN1	0	0.000937478	inf	1
MIR5191	0	0	0	1
MIR1231	0	0	0	1
GPR37L1	0	0.0304825	inf	1
LOC641515	0	0.0205167	inf	1
OPTC	0	0	0	1
SNORA77	0	0	0	1
LINC00260	0	0	0	1
LEMD1-AS1	0	0	0	1
AVPR1B	0	0	0	1
CTSE	0	0	0	1
IL20	0	0	0	1
IL24	0	0	0	1
C4BPB	0	0	0	1
C4BPA	0	0	0	1
CR2	0	0	0	1
CR1	0	0.000953222	inf	1
CR1L	0	0	0	1
MIR205HG	0	0	0	1
CAMK1G	0	0	0	1
HSD11B1	0	0.0068547	inf	1
TRAF3IP3	0	0.0189391	inf	1
SYT14	0	0	0	1
SERTAD4	0	0	0	1
MIR3122	0	0	0	1
SNORA16B	0	1.32291	inf	1
KCNK2	0	0	0	1
LINC00210	0	0	0	1
RNU5F-1	0	0	0	1

MARK1	0	0	0	1
C1orf65	0	0	0	1
PRSS38	0	0	0	1
WNT3A	0	0	0	1
MIR3620	0	0	0	1
MIR4666A	0	0	0	1
CAPN9	0	0	0	1
MAP10	0	0	0	1
MIR4427	0	0	0	1
MIR4671	0	0	0	1
LINC00184	0	0	0	1
ACTN2	0	0	0	1
LOC100130331	0	0	0	1
RPS7P5	0	0	0	1
FMN2	0	0	0	1
MIR3123	0	0	0	1
WDR64	0	0	0	1
MIR4677	0	0	0	1
C1orf100	0	0	0	1
OR2W5	0	0	0	1
GCSAML	0	0	0	1
OR2G2	0	0	0	1
OR2G3	0	0	0	1
OR2W3	0	0	0	1
OR2T8	0	0	0	1
OR2L13	0	0	0	1
OR2L8	0	0	0	1
OR2AK2	0	0	0	1
OR2L1P	0	0	0	1
OR2L5	0	0	0	1
OR2L2	0	0	0	1
OR2L3	0	0	0	1
OR2M1P	0	0	0	1
OR2M5	0	0	0	1
OR2M2	0	0	0	1
OR2M3	0	0	0	1
OR2M4	0	0	0	1
OR14C36	0	0	0	1
OR2T4	0	0	0	1
OR2T6	0	0	0	1
OR2T1	0	0	0	1
OR2T2	0	0	0	1
OR2T3	0	0	0	1
OR2T5	0	0	0	1
OR2G6	0	0	0	1
MIR3124	0	0	0	1
FAM138F	0	0	0	1
OR4F3	0	0	0	1
TNFRSF18	0	0	0	1
C1orf233	0	0	0	1
HES5	0	0	0	1
MIR551A	0	0	0	1
MIR4689	0	0	0	1
MIR4252	0	0	0	1
SLC2A7	0	0	0	1
MIR34A	0	0	0	1
C1orf200	0	0	0	1
NPPB	0	0.0248391 inf	0	1
PRAMEF11	0	0	0	1
HNRNPCL1,LOC649330	0	0.021455 inf	0	1
PRAMEF4	0	0	0	1
PRAMEF10	0	0	0	1
PRAMEF6	0	0	0	1
PRAMEF5	0	0	0	1
LOC440563	0	0	0	1
PRAMEF3	0	0	0	1
PRAMEF8	0	0	0	1
PRAMEF13,PRAMEF14	0	0	0	1
PRAMEF18	0	0	0	1
PRAMEF7,PRAMEF8	0	0	0	1
PRAMEF14	0	0	0	1
PRAMEF18	0	0	0	1
LRRC38	0	0	0	1
HSPB7	0	0	0	1
SPATA21	0	0	0	1
ESPNP	0	0	0	1
MIR3675	0	0	0	1
PADI2	0	0	0	1
TAS1R2	0	0	0	1

MIR4695	0	0	0	1
RNF186	0	0	0	1
PLA2G2E	0	0	0	1
PLA2G2A	0	0	0	1
PLA2G2D	0	0	0	1
PLA2G2C	0	0	0	1
LOC339505	0	0.0026033	inf	1
MIR4253	0	0	0	1
CNR2	0	0	0	1
RUNX3	0	0.00366507	inf	1
SLC30A2	0	0	0	1
TRIM63	0	0.0141526	inf	1
AIM1L	0	0	0	1
ZNF683	0	0	0	1
C1orf172	0	0	0	1
CD164L2	0	0	0	1
FGR	0	0.00675446	inf	1
MIR4420	0	0	0	1
SNORD103A	0	0	0	1
SNORD103A	0	0	0	1
SNORD85	0	0	0	1
MIR4254	0	0	0	1
DLGAP3	0	0	0	1
CSF3R	0	0	0	1
GRIK3	0	0.00100635	inf	1
MIR5581	0	0	0	1
RSP01	0	0	0	1
POU3F1	0	0.0101445	inf	1
LOC339442	0	0	0	1
SNORA55	0	0	0	1
NT5C1A	0	0	0	1
CLDN19	0	0	0	1
KNCN	0	0	0	1
CYP4Z2P	0	0	0	1
CYP4A11	0	0.00465758	inf	1
PDZK1IP1	0	0	0	1
TAL1	0	0.00916624	inf	1
SKINTL	0	0	0	1
AGBL4	0	0	0	1
BEND5	0	0	0	1
SLC1A7	0	0	0	1
SLC25A3P1	0	0	0	1
CDCP2	0	0.00794428	inf	1
TTC22	0	0	0	1
C1orf168	0	0	0	1
C8B	0	0	0	1
DAB1	0	0	0	1
MIR4711	0	0	0	1
CYP2J2	0	0	0	1
C1orf87	0	0	0	1
KANK4	0	0	0	1
MIR3671	0	0	0	1
MIR101-1	0	0	0	1
INSL5	0	0	0	1
MIR1262	0	0	0	1
RPE65	0	0	0	1
MIR186	0	0	0	1
NEGR1	0	0	0	1
NEGR1-IT1	0	0	0	1
C1orf173	0	0	0	1
SLC44A5	0	0	0	1
ASB17	0	0.00692291	inf	1
ELTD1	0	0	0	1
MIR548AP	0	0	0	1
LOC100505768	0	0.0229847	inf	1
GBP7	0	0	0	1
GBP5	0	0.00215417	inf	1
BARHL2	0	0	0	1
HFM1	0	0	0	1
MIR137,MIR137HG	0	0	0	1
MIR2682	0	0	0	1
LPPR5	0	0	0	1
LOC100128787	0	0	0	1
RNU6-6	0	0	0	1
OLFM3	0	0	0	1
COL11A1	0	0	0	1
AMY1A	0	0	0	1
VAV3	0	0	0	1
NBPF4	0	0	0	1

HENMT1	0	0	0	1
MYBPHL	0	0	0	1
EPS8L3	0	0	0	1
KCNA10	0	0	0	1
KCNA2	0	0	0	1
KCNA3	0	0	0	1
PGCP1	0	0	0	1
MIR4256	0	0	0	1
LOC643441	0	0	0	1
DENND2C	0	0.00239309	inf	1
AMPD1	0	0.00391874	inf	1
TSPAN2	0	0	0	1
NGF	0	0	0	1
SPAG17	0	0.000946588	inf	1
HMGCS2	0	0	0	1
REG4	0	0.00751981	inf	1
ADAM30	0	0	0	1
FCGR1B	0	0.0063487	inf	1
PPIAL4B	0	0	0	1
LOC653513	0	0.0134319	inf	1
PDZK1P1	0	0	0	1
LINC00624	0	0	0	1
PDZK1P1	0	0	0	1
MIR5087	0	0	0	1
FLJ39739	0	0	0	1
PPIAL4B	0	0	0	1
PPIAL4D	0	0	0	1
HIST2H3A	0	0	0	1
HIST2H2AA3	0	0.0519648	inf	1
HIST2H4A	0	0	0	1
HORMAD1	0	0	0	1
SELENBP1	0	0	0	1
C2CD4D	0	0	0	1
THEM5	0	0	0	1
TCHHL1	0	0	0	1
TCHH	0	0	0	1
RPTN	0	0	0	1
FLG2	0	0	0	1
CRNN	0	0	0	1
LCE3E	0	0	0	1
LCE3D	0	0	0	1
LCE3A	0	0	0	1
SPRR2D	0	0.0369223	inf	1
SPRR2A	0	0	0	1
SPRR2B	0	0	0	1
SPRR2E	0	0	0	1
SPRR2F	0	0	0	1
SPRR2C	0	0	0	1
SPRR2G	0	0	0	1
PGLYRP3	0	0	0	1
PGLYRP4	0	0	0	1
S100A12	0	0	0	1
S100A8	0	0	0	1
S100A7L2	0	0	0	1
S100A7	0	0	0	1
MIR190B	0	0	0	1
SNORA42	0	0	0	1
SCARNA4	0	0	0	1
MIR9-1	0	0	0	1
MIR765	0	0	0	1
ETV3L	0	0.00647708	inf	1
FCRL5	0	0	0	1
FCRL4	0	0	0	1
FCRL3	0	0	0	1
FCRL2	0	0	0	1
FCRL1	0	0	0	1
CD5L	0	0	0	1
LOC646268	0	0	0	1
CD1B	0	0	0	1
OR10T2	0	0	0	1
OR10K2	0	0	0	1
OR6Y1	0	0	0	1
OR6P1	0	0	0	1
OR10X1	0	0	0	1
OR6K2	0	0	0	1
OR6K3	0	0	0	1
OR6N1	0	0	0	1
OR6N2	0	0	0	1
AIM2	0	0.00502997	inf	1

LOC100131825	0	0	0	1
OR10J3	0	0	0	1
OR10J5	0	0	0	1
CRP	0	0	0	1
SLAMF9	0	0.0155469	inf	1
SLAMF6	0	0	0	1
SLAMF1	0	0	0	1
CD48	0	0	0	1
CD244	0	0	0	1
ITLN1	0	0	0	1
ITLN2	0	0	0	1
FCGR3A	0	0	0	1
FCGR3B	0	0	0	1
SH2D1B	0	0.00746797	inf	1
LOC100505795	0	0	0	1
LMX1A	0	0	0	1
LOC400794	0	0	0	1
MIR921	0	0	0	1
LOC100505918	0	0.00314297	inf	1
XCL2	0	0	0	1
DPT	0	0	0	1
SELP	0	0	0	1
SELL	0	0	0	1
SELE	0	0	0	1
MIR3119-1	0	0	0	1
LOC284688	0	0	0	1
MIR1295A	0	0	0	1
MYOC	0	0	0	1
DNM3OS	0	0	0	1
TNFSF18	0	0	0	1
SLC9C2	0	0	0	1
SNORD81	0	0	0	1
SNORD80	0	0	0	1
SNORD79	0	0	0	1
SNORD78	0	0	0	1
SNORD44	0	440.519	inf	1
SNORD77	0	0	0	1
SNORD76	0	52.7029	inf	1
SNORD75	0	0	0	1
SNORD74	0	0	0	1
TNR	0	0	0	1
ASTN1	0	0	0	1
MIR488	0	0	0	1
LOC730102	0	0	0	1
ANGPTL1	0	0	0	1
MIR3121	0	0	0	1
RGS8	0	0	0	1
SHCBP1L	0	0	0	1
NMNAT2	0	0	0	1
NCF2	0	0.00423208	inf	1
LOC100288079	0	0	0	1
MIR548F1	0	0	0	1
PTGS2	0	0	0	1
FAM5C	0	0	0	1
KCNT2	0	0	0	1
MIR4735	0	0	0	1
DENND1B	0	0.00443955	inf	1
ATP6V1G3	0	0	0	1
LOC100131234	0	0	0	1
MIR181B1	0	0	0	1
MIR181A1	0	0	0	1
CACNA1S	0	0	0	1
TNNT2	0	0	0	1
LAD1	0	0.00923517	inf	1
TNNI1	0	0	0	1
RNU6-79	0	0	0	1
MYBPH	0	0	0	1
CHI3L1	0	0	0	1
CHIT1	0	0	0	1
FMOD	0	0	0	1
LINC00303	0	0	0	1
KLHDC8A	0	0	0	1
MIR135B	0	0	0	1
PM20D1	0	0	0	1
SLC26A9	0	0	0	1
C1orf186	0	0	0	1
FAIM3	0	0	0	1
FCAMR	0	0	0	1
MIR29B2	0	0	0	1

CD34	0	0	0	1
IRF6	0	0	0	1
ESRRG	0	0	0	1
LOC728463	0	0	0	1
SLC30A10	0	0	0	1
MIR215	0	0	0	1
MIR194-1	0	0	0	1
MIR664.SNORA36B	0	0	0	1
C1orf140	0	0	0	1
MIR320B2	0	0	0	1
MIR4742	0	0	0	1
LEFTY1	0	0.013861	inf	1
LEFTY2	0	0	0	1
ZNF847P	0	0	0	1
WNT9A	0	0	0	1
MIR5008	0	0	0	1
HIST3H3	0	0	0	1
PGBD5	0	0	0	1
LOC149373	0	0	0	1
SNRPD2P2	0	0.0170047	inf	1
LINC00582	0	0	0	1
DISC2	0	0.00419192	inf	1
LOC100506795	0	0	0	1
MIR4753	0	0	0	1
MIR1537	0	0	0	1
NID1	0	0	0	1
MT1P2	0	0	0	1
ZP4	0	0	0	1
LOC339535	0	0	0	1
GREM2	0	0	0	1
RGS7	0	0	0	1
PLD5	0	0	0	1
LOC255654	0	0.0118305	inf	1
MIR3916	0	0	0	1
OR2B11	0	0	0	1
OR2C3	0	0	0	1
OR13G1	0	0	0	1
OR6F1	0	0	0	1
OR1C1	0	0	0	1
OR14A16	0	0	0	1
OR11L1	0	0	0	1
OR2T33	0	0	0	1
OR2T12	0	0	0	1
OR2M7	0	0	0	1
OR2T29	0	0	0	1
OR2T34	0	0	0	1
OR2T10	0	0	0	1
OR2T11	0	0	0	1
OR2T35	0	0	0	1
OR2T27	0	0	0	1
OR14I1	0	0	0	1
LYPD8	0	0	0	1
LINC00200	0	0	0	1
ADARB2-AS1	0	0	0	1
LINC00705	0	0	0	1
AKR1E2	0	0	0	1
AKR1C1	0	0.00752894	inf	1
AKR1C4	0	0	0	1
UCN3	0	0	0	1
CALML3	0	0.0153789	inf	1
MIR3155A	0	0	0	1
LINC00707	0	0.00318588	inf	1
GATA3	0	0	0	1
ECHDC3	0	0	0	1
MIR4480	0	0	0	1
MIR1265	0	0	0	1
ST8SIA6-AS1	0	0	0	1
MIR511-1	0	0	0	1
MRC1	0	0	0	1
MIR511-2	0	0	0	1
SLC39A12	0	0	0	1
PLXDC2	0	0	0	1
MIR4675	0	0	0	1
NEBL-AS1	0	0	0	1
LOC100130992	0	0	0	1
SPAG6	0	0.00432151	inf	1
ARMC3	0	0	0	1
PTF1A	0	0	0	1
MIR603	0	0	0	1

MYO3A	0	0	0	1
GAD2	0	0	0	1
APBB1IP	0	0	0	1
LINC00202-2	0	0	0	1
MIR5586	0	0	0	1
LYZL1	0	0	0	1
ANKRD30A	0	0	0	1
ACTR3BP5	0	0	0	1
MIR5100	0	0	0	1
ZNF32-AS3	0	0	0	1
LINC00619	0	0	0	1
LINC00840	0	0	0	1
LINC00841	0	0	0	1
LOC100130539	0	0	0	1
TMEM72	0	0	0	1
ANKRD30BP3	0	0	0	1
MIR3156-1	0	0	0	1
GLUD1P7	0	0.00616426	inf	1
GPRIN2	0	0	0	1
PPYR1	0	0	0	1
BMS1P2	0	0	0	1
FAM25C	0	0	0	1
ANXA8	0	0	0	1
FAM170B-AS1	0	0	0	1
CHAT	0	0	0	1
SLC18A3	0	0	0	1
C10orf53	0	0	0	1
MSMB	0	0.0223481	inf	1
PRKG1	0	0	0	1
MIR605	0	0	0	1
DKK1	0	0	0	1
BICC1	0	0	0	1
PHYHIPL	0	0	0	1
C10orf107	0	0	0	1
MIR548AV	0	0	0	1
ANXA2P3	0	0.00601094	inf	1
LRRTM3	0	0	0	1
SNORD98	0	0	0	1
CHST3	0	0	0	1
MIR4676	0	0	0	1
OIT3	0	0.00501784	inf	1
ZNF503-AS1	0	0	0	1
SFTP A1	0	0	0	1
LOC100288974,MBL1P	0	0	0	1
NRG3	0	0	0	1
C10orf99	0	0	0	1
CDHR1	0	0	0	1
RGR	0	0	0	1
LINC00858	0	0	0	1
GRID1-AS1	0	0	0	1
FAM25A	0	0	0	1
MIR4678	0	0	0	1
LIPJ	0	0	0	1
LIPF	0	0	0	1
LIPK	0	0	0	1
LIPN	0	0	0	1
LIPM	0	0	0	1
MIR4679-1	0	0	0	1
IFIT1B	0	0.00959234	inf	1
LOC643529	0	0.00241264	inf	1
LINC00502	0	0	0	1
HHEX	0	0	0	1
CYP26C1	0	0	0	1
PDE6C	0	0.00242716	inf	1
LG1	0	0	0	1
CYP2C19	0	0	0	1
C10orf129	0	0	0	1
DNTT	0	0	0	1
LOC100505540	0	0	0	1
ANKRD2	0	0.0135494	inf	1
MIR5692C2	0	0	0	1
NKX2-3	0	0	0	1
MIR608	0	0	0	1
TLX1	0	0	0	1
FLJ41350	0	0	0	1
ELOVL3	0	0.00986231	inf	1
MIR146B	0	0	0	1
LOC729020	0	0	0	1
INA	0	0	0	1

SORCS3	0	0	0	1
RNU6-53	0	0	0	1
RBM20	0	0	0	1
TECTB	0	0	0	1
MIR4295	0	0	0	1
HABP2	0	0	0	1
TDRD1	0	0	0	1
VWA2	0	0	0	1
ATRNL1	0	0	0	1
CCDC172	0	0	0	1
PNLIPRP3	0	0	0	1
PNLIP	0	0	0	1
PNLIPRP1	0	0	0	1
KCNK18	0	0	0	1
EMX2	0	0.00455198	inf	1
MIR4681	0	0	0	1
MIR4682	0	0	0	1
PPAPDC1A	0	0	0	1
MIR5694	0	0	0	1
MIR3941	0	0	0	1
ARMS2	0	0	0	1
FAM24A	0	0	0	1
GPR26	0	0	0	1
LOC100169752	0	0	0	1
MIR4484	0	56.9497	inf	1
NPS	0	0	0	1
FOXI2	0	0	0	1
LOC399829	0	0	0	1
GPR123	0	0	0	1
UTF1	0	0	0	1
VENTX	0	0.0140646	inf	1
DUX2,DUX4,DUX4L2	0	0	0	1
MIR5699	0	0	0	1
ADARB2	0	0	0	1
LINC00700	0	0	0	1
LINC00701	0	0	0	1
LINC00704	0	0.00597978	inf	1
AKR1C6P	0	0	0	1
AKR1C2	0	0	0	1
AKR1CL1	0	0	0	1
CALML5	0	0	0	1
IL2RA	0	0	0	1
MIR3155B	0	0	0	1
GATA3-AS1	0	0	0	1
LINC00710	0	0	0	1
CELF2-AS2	0	0	0	1
UCMA	0	0	0	1
ITGA8	0	0	0	1
ST8SIA6	0	0	0	1
LOC100129213	0	0	0	1
NEBL	0	0.00416223	inf	1
C10orf113	0	0	0	1
MIR1915	0	0	0	1
C10orf67	0	0	0	1
GPR158-AS1	0	0	0	1
PTCHD3	0	0	0	1
MKX	0	0	0	1
LINC00837	0	0	0	1
MIR604	0	0	0	1
MIR938	0	0	0	1
KIAA1462	0	0	0	1
LYZL2	0	0	0	1
LINC00838	0	0	0	1
MTRNR2L7	0	0	0	1
LOC441666	0	0	0	1
CXCL12	0	0	0	1
ZFAND4	0	0	0	1
PTPN20A,PTPN20B	0	0	0	1
LINC00842	0	0	0	1
ANXA8	0	0.00528372	inf	1
FAM25C	0	0	0	1
AGAP9	0	0	0	1
RBP3	0	0.00341111	inf	1
GDF10	0	0	0	1
PTPN20A,PTPN20B	0	0	0	1
FRMPD2P1	0	0	0	1
FAM25C	0	0	0	1
FRMPD2	0	0	0	1
LRRC18	0	0	0	1

MIR4294	0	0	0	1
FAM170B	0	0	0	1
C10orf128	0	0	0	1
DRGX	0	0	0	1
OGDHL	0	0	0	1
PRKG1-AS1	0	0.00333916 inf		1
MBL2	0	0	0	1
PCDH15	0	0.000963153 inf		1
MIR3924	0	0	0	1
C10orf40	0	0	0	1
TMEM26	0	0	0	1
MIR1296	0	0	0	1
CTNNA3	0	0	0	1
NEUROG3	0	0	0	1
NPFFR1	0	0	0	1
TBATA	0	0	0	1
C10orf105	0	0	0	1
C10orf54	0	0	0	1
MIR1256	0	0	0	1
PLA2G12B	0	0	0	1
DUPD1	0	0	0	1
SFTP2A2	0	0	0	1
SFTPD	0	0	0	1
DYDC1	0	0	0	1
LRIT2	0	0	0	1
LRIT1	0	0	0	1
MIR346	0	0	0	1
LOC728218	0	0	0	1
RNLS	0	0	0	1
ANKRD22	0	0	0	1
MIR4679-2	0	0	0	1
CH25H	0	0	0	1
SLC16A12	0	0	0	1
MIR107	0	0	0	1
HTR7	0	0	0	1
PPP1R3C	0	0	0	1
RBP4	0	0	0	1
LOC100128054	0	0	0	1
CYP2C8	0	0	0	1
PDLIM1	0	0	0	1
MIR3157	0	0	0	1
OPALIN	0	0	0	1
SFRP5	0	0.0470867 inf		1
CRTAC1	0	0	0	1
MIR4685	0	0	0	1
PKD2L1	0	0	0	1
TLX1NB	0	0	0	1
LBX1	0	0	0	1
MIR3158-2	0	0	0	1
PITX3	0	0	0	1
CALHM3	0	0	0	1
MIR609	0	0	0	1
MIR4482-1	0	0	0	1
SORCS1	0	0	0	1
GUCY2GP	0	0	0	1
MIR4483	0	0	0	1
VAX1	0	0	0	1
MIR3663	0	0	0	1
PRLHR	0	0	0	1
SNORA19	0	0	0	1
C10orf120	0	0	0	1
NKX1-2	0	0	0	1
MIR4296	0	0	0	1
TEX36	0	0	0	1
ADAM12	0	0	0	1
LINC00601	0	0	0	1
C10orf90	0	0	0	1
CLRN3	0	0	0	1
MIR4297	0	0	0	1
MIR378C	0	0	0	1
NKX6-2	0	0	0	1
TTC40	0	0	0	1
MIR202	0	0	0	1
CALY	0	0.0261038 inf		1
FUOM	0	0	0	1
MIR3944	0	0	0	1
FRG2B	0	0	0	1
SCGB1C1	0	0	0	1
ODF3	0	0	0	1

MUC2	0	0	0	1
LOC338651	0	0.0117373 inf		1
KRTAP5-5	0	0	0	1
FAM99A	0	0	0	1
SYT8	0	0.0284912 inf		1
TNNI2	0	0	0	1
TNNT3	0	0	0	1
IGF2-AS	0	0	0	1
MIR4686	0	0	0	1
TSPAN32	0	0.0110119 inf		1
MRGPRG-AS1	0	0	0	1
ART1	0	0	0	1
OR52K2	0	0	0	1
OR52K1	0	0	0	1
OR52M1	0	0	0	1
OR52I2	0	0	0	1
OR51D1	0	0	0	1
OR51E1	0	0	0	1
OR51F2	0	0	0	1
OR51T1	0	0	0	1
OR51A7	0	0	0	1
MMP26	0	0	0	1
OR51L1	0	0	0	1
OR52J3	0	0	0	1
OR51B6	0	0	0	1
OR51M1	0	0.0150734 inf		1
OR51Q1	0	0	0	1
OR51I2	0	0	0	1
OR52D1	0	0	0	1
OR52B6	0	0	0	1
OR56B1	0	0	0	1
OR52N4	0	0	0	1
OR52N2	0	0	0	1
OR52E4	0	0	0	1
OR56A3	0	0	0	1
OR52W1	0	0.0125848 inf		1
CCKBR	0	0	0	1
OR2AG1	0	0	0	1
OR10A5	0	0	0	1
OR10A2	0	0.0167755 inf		1
OR10A4	0	0	0	1
OR2D3	0	0.0396355 inf		1
SYT9	0	0	0	1
OR5E1P	0	0	0	1
TUB	0	0	0	1
MRV11-AS1	0	0	0	1
RASSF10	0	0	0	1
OR7E14P	0	0	0	1
MYOD1	0	0	0	1
MRGPRX4	0	0	0	1
SAA1	0	0	0	1
MIR4486	0	0	0	1
SLC6A5	0	0	0	1
NELL1	0	0	0	1
ANO5	0	0	0	1
SLC17A6	0	0	0	1
LUZP2	0	0	0	1
ANO3	0	0	0	1
FIBIN	0	0	0	1
BBOX1	0	0	0	1
MIR610	0	0	0	1
FSHB	0	0	0	1
DKFZp686K1684	0	0	0	1
WT1-AS	0	0	0	1
EHF	0	0	0	1
MIR1343	0	0	0	1
MIR3973	0	0	0	1
MIR670	0	0	0	1
MIR129-2	0	0	0	1
ACCSL	0	0	0	1
LOC221122	0	0	0	1
LOC100507384	0	0	0	1
GYLTL1B	0	0	0	1
MIR4688	0	0	0	1
MIR3160-2	0	0	0	1
OR4B1	0	0	0	1
OR4X2	0	0	0	1
OR4X1	0	0	0	1
OR4S1	0	0	0	1

OR4C3	0	0	0	1
OR4A47	0	0	0	1
TRIM49B	0	0	0	1
LOC440040	0	0	0	1
OR4C13	0	0	0	1
LOC646813	0	0	0	1
OR4C46	0	0	0	1
TRIM48	0	0	0	1
OR4A16	0	0	0	1
OR4A15	0	0	0	1
OR4C15	0	0	0	1
OR4C16	0	0	0	1
OR4P4	0	0	0	1
OR4S2	0	0	0	1
OR4C6	0	0	0	1
OR5D13	0	0	0	1
OR5D14	0	0	0	1
OR5L1	0	0	0	1
OR5D18	0	0	0	1
OR5L2	0	0	0	1
OR5D16	0	0	0	1
TRIM51	0	0	0	1
OR5AS1	0	0	0	1
OR8I2	0	0	0	1
OR8H2	0	0	0	1
OR8H3	0	0	0	1
OR5J2	0	0	0	1
OR5T3	0	0	0	1
OR5T1	0	0	0	1
OR8K3	0	0	0	1
OR8K1	0	0	0	1
OR8J1	0	0	0	1
OR8U1,OR8U8	0	0	0	1
OR5AR1	0	0	0	1
OR9G9	0	0	0	1
OR5AK2	0	0	0	1
OR5AK4P	0	0	0	1
LRRC55	0	0	0	1
MIR130A	0	0	0	1
OR9Q1	0	0	0	1
OR6Q1	0	0	0	1
OR9Q2	0	0	0	1
OR1S1	0	0	0	1
GLYATL1	0	0	0	1
OR5AN1	0	0	0	1
OR5A1	0	0	0	1
OR4D6	0	0	0	1
OR4D10	0	0	0	1
OR4D11	0	0	0	1
OR4D9	0	0	0	1
PLAC1L	0	0	0	1
MS4A3	0	0	0	1
MS4A2	0	0	0	1
MS4A4A	0	0	0	1
MS4A6E	0	0	0	1
MS4A7	0	0	0	1
MS4A14	0	0	0	1
MS4A5	0	0	0	1
MS4A1	0	0	0	1
MS4A12	0	0	0	1
MS4A13	0	0	0	1
LINC00301	0	0	0	1
MS4A8B	0	0	0	1
MS4A15	0	0	0	1
ZP1	0	0.00699207	inf	1
CD6	0	0	0	1
PGA3	0	0	0	1
PGA4	0	0	0	1
PGA5	0	0	0	1
MIR4488	0	0	0	1
LRRC10B	0	0	0	1
SCGB1D1	0	0	0	1
SCGB2A1	0	0.0472996	inf	1
SCGB1D2	0	0	0	1
SCGB2A2	0	0	0	1
SCGB1A1	0	0	0	1
SLC22A10	0	0	0	1
LGALS12	0	0	0	1
MIR1237	0	0	0	1

SLC22A12	0	0	0	1
SPDYC	0	0	0	1
MIR548AR	0	0	0	1
MIR4690	0	0	0	1
MIR4489	0	0	0	1
NPAS4	0	0	0	1
MIR4691	0	0	0	1
ANO1	0	0	0	1
MIR548K	0	0	0	1
DEFB108B	0	0	0	1
FOLR2	0	0	0	1
MIR4692	0	0	0	1
SLCO2B1	0	0	0	1
TPBGL	0	0	0	1
MOGAT2	0	0	0	1
B3GNT6	0	0	0	1
THRSP	0	0.00875787 inf		1
CCDC83	0	0.00414954 inf		1
GRM5-AS1	0	0	0	1
TYR	0	0	0	1
FOLH1B	0	0	0	1
TRIM77	0	0	0	1
MIR5692A1	0	0	0	1
TRIM53AP	0	0	0	1
TRIM49D1P,TRIM49D2P	0	0	0	1
TRIM64	0	0	0	1
TRIM49C	0	0	0	1
UBTFL1	0	0	0	1
FAT3	0	0.000389193 inf		1
MTNR1B	0	0	0	1
CCDC67	0	0	0	1
FOLR4	0	0	0	1
LOC643037	0	0	0	1
KDM4E	0	0	0	1
MIR1260B	0	0	0	1
CNTN5	0	0	0	1
LOC101054525	0	0	0	1
WTAPP1	0	0	0	1
MIR4693	0	0	0	1
DDI1	0	0	0	1
LOC643923	0	0	0	1
RAB39A	0	0	0	1
C11orf87	0	0	0	1
C11orf53	0	0	0	1
MIR4491	0	0	0	1
MIR34B	0	0	0	1
MIR34C	0	0	0	1
C11orf88	0	0	0	1
LAYN	0	0	0	1
CLDN25	0	0	0	1
HTR3B	0	0	0	1
HTR3A	0	0	0	1
ZBTB16	0	0	0	1
NXPE2	0	0	0	1
APOC3	0	0	0	1
TMPRSS4	0	0	0	1
CD3E	0	0	0	1
MIR4492	0	0	0	1
FOXR1	0	0	0	1
PDZD3	0	0	0	1
GRIK4	0	0	0	1
SORL1	0	0	0	1
LOC341056	0	0	0	1
OR8D4	0	0	0	1
OR4D5	0	0	0	1
OR10G4	0	0	0	1
OR10G9	0	0	0	1
OR10G8	0	0	0	1
OR8G2	0	0	0	1
OR8G1,OR8G5	0	0	0	1
OR8A1	0	0	0	1
PANX3	0	0	0	1
HEPN1	0	0	0	1
PKNOX2	0	0	0	1
PATE1	0	0	0	1
PATE3	0	0	0	1
PATE4	0	0.00409001 inf		1
KIRREL3-AS2	0	0	0	1
KIRREL3-AS3	0	0	0	1

FLI1	0	0	0	1
ADAMTS15	0	0	0	1
C11orf44	0	0	0	1
LOC100128239	0	0	0	1
GLB1L3	0	0.00746255 inf		1
MIR210	0	7.23137 inf		1
KRTAP5-2	0	0	0	1
KRTAP5-3	0	0	0	1
KRTAP5-4	0	0.0116474 inf		1
FAM99B	0	0	0	1
MIR4298	0	0	0	1
MIR483	0	0	0	1
TH	0	0	0	1
ASCL2	0	0	0	1
C11orf21	0	0	0	1
MRGPRG	0	0	0	1
MRGPRE	0	0	0	1
OR52B4	0	0	0	1
C11orf40	0	0	0	1
OR51E2	0	0	0	1
OR51F1	0	0	0	1
OR52R1	0	0	0	1
OR51S1	0	0	0	1
OR51G2	0	0	0	1
OR51G1	0	0	0	1
OR51A4	0	0	0	1
OR51A2	0	0	0	1
OR52E2	0	0	0	1
OR52A5	0	0	0	1
OR52A1	0	0	0	1
OR51V1	0	0	0	1
HBB	0	0	0	1
HBD	0	0.033962 inf		1
OR51B2	0	0	0	1
UBQLN3	0	0	0	1
OR52H1	0	0	0	1
OR52N5	0	0	0	1
OR52N1	0	0	0	1
OR52E6	0	0	0	1
OR52E8	0	0	0	1
OR56A5	0	0	0	1
OR52L1	0	0	0	1
OR56A4	0	0	0	1
OR56A1	0	0	0	1
OR52B2	0	0	0	1
OVCH2	0	0	0	1
OR5P2	0	0	0	1
OR5P3	0	0	0	1
LOC283299	0	0	0	1
OR10A6	0	0	0	1
OR10A3	0	0	0	1
NLRP10	0	0	0	1
RIC3	0	0.00154295 inf		1
LMO1	0	0	0	1
ASCL3	0	0	0	1
MIR5691	0	0	0	1
LYVE1	0	0	0	1
MIR4299	0	0	0	1
PTH	0	0	0	1
CALCA	0	0	0	1
ABCC8	0	0	0	1
SAA3P	0	0	0	1
SAA2,SAA2-SAA4,SAA4	0	0.00310405 inf		1
PTPN5	0	0.00413403 inf		1
MRGPRX1	0	0	0	1
MRGPRX2	0	0	0	1
CSRP3	0	0	0	1
NAV2-AS5	0	0	0	1
NAV2-AS4	0	0	0	1
MIR4694	0	0	0	1
DBX1	0	0	0	1
CCDC179	0	0	0	1
MUC15	0	0	0	1
KCNA4	0	0	0	1
WT1	0	0	0	1
SLC1A2	0	0	0	1
RAG2	0	0.00255613 inf		1
LRRC4C	0	0.00248289 inf		1
LOC100507205	0	0	0	1

HNRNPKP3	0	0	0	1
LOC100507300	0	0	0	1
CHST1	0	0.00921027	inf	1
MIR3160-1	0	0	0	1
MIR5582	0	0	0	1
SNORD67	0	0	0	1
MYBPC3	0	0	0	1
OR4C45	0	0	0	1
TRIM64C	0	0	0	1
FOLH1	0	0	0	1
OR4C12	0	0	0	1
LOC441601	0	0	0	1
OR4A5	0	0	0	1
TRIM51HP	0	0	0	1
OR4C11	0	0	0	1
OR5W2	0	0	0	1
OR5I1	0	0	0	1
OR10AG1	0	0	0	1
OR7E5P	0	0	0	1
OR5F1	0	0	0	1
OR8J3	0	0	0	1
OR8K5	0	0	0	1
OR5T2	0	0	0	1
OR8H1	0	0	0	1
OR5R1	0	0	0	1
OR5M9	0	0	0	1
OR5M3	0	0	0	1
OR5M8	0	0	0	1
OR5M11	0	0	0	1
OR5M10	0	0	0	1
OR5M1	0	0	0	1
OR5AP2	0	0	0	1
OR9G4	0	0	0	1
APLNR	0	0	0	1
PRG3	0	0	0	1
OR9I1	0	0	0	1
OR1S2	0	0	0	1
OR10Q1	0	0	0	1
OR10W1	0	0	0	1
OR5B17	0	0	0	1
OR5B3	0	0	0	1
OR5B2	0	0	0	1
OR5B12	0	0	0	1
OR5B21	0	0	0	1
GLYAT	0	0.00471553	inf	1
GLYATL2	0	0	0	1
LOC283194	0	0	0	1
MPEG1	0	0.00173259	inf	1
OR5A2	0	0	0	1
MIR3162	0	0	0	1
OR10V1	0	0	0	1
GIF	0	0	0	1
TCN1	0	0.00700731	inf	1
MS4A6A	0	0	0	1
DKFZP434K028	0	0	0	1
MIR1908	0	0	0	1
SCGB1D4	0	0	0	1
SNORD31	0	0	0	1
SNORD30	0	127.583	inf	1
SNORD28	0	0	0	1
SNORD27	0	169.905	inf	1
SNORD26	0	0	0	1
SNORD25	0	0	0	1
SLC22A6	0	0	0	1
SLC22A8	0	0	0	1
SLC22A24	0	0	0	1
SLC22A25	0	0	0	1
MIR3680-2	0	0	0	1
HRASLS5	0	0	0	1
MIR192	0	0	0	1
MIR194-2	0	0	0	1
C11orf85	0	0	0	1
GAL3ST3	0	0.00401455	inf	1
CD248	0	0	0	1
CTSF	0	0	0	1
GPR152	0	0	0	1
CABP2	0	0	0	1
TBX10	0	0.0105218	inf	1
ALDH3B2	0	0	0	1

MRGPRD	0	0	0	1
MRGPRF	0	0.00829479 inf		1
FGF19	0	0	0	1
FGF4	0	0	0	1
FGF3	0	0	0	1
MIR3664	0	0	0	1
KRTAP5-11	0	0	0	1
MIR3165	0	0	0	1
PHOX2A	0	0	0	1
MIR139	0	0	0	1
P4HA3	0	0	0	1
CHRD2	0	0	0	1
MIR4696	0	0	0	1
OR2AT4	0	0	0	1
MIR326	0	0	0	1
LOC283214	0	0	0	1
GUCY2EP	0	0	0	1
GDPD4	0	0	0	1
RNU6-83	0	0	0	1
TENM4	0	0	0	1
MIR708	0	0	0	1
MIR5579	0	0	0	1
MIR4300	0	0	0	1
FAM181B	0	0	0	1
SNORA70E	0	0	0	1
OR7E2P	0	0	0	1
GRM5	0	0	0	1
TRIM49	0	0	0	1
TRIM64B	0	0	0	1
TRIM49D1P,TRIM49D2P	0	0	0	1
TRIM53AP	0	0	0	1
MIR4490	0	0	0	1
SNORD6	0	0	0	1
SNORD5	0	0	0	1
MIR1304	0	0	0	1
JRKL-AS1	0	0	0	1
PGR	0	0	0	1
MIR3920	0	0	0	1
MMP7	0	0	0	1
MMP20	0	0	0	1
MMP27	0	0	0	1
MMP8	0	0	0	1
MMP12	0	0	0	1
MMP13	0	0	0	1
PDGFD	0	0	0	1
CASP12	0	0	0	1
CARD17	0	0	0	1
GUCY1A2	0	0	0	1
ARHGAP20	0	0	0	1
LOC100132078	0	0	0	1
BTG4	0	0	0	1
LOC100288346	0	0	0	1
DRD2	0	0	0	1
MIR4301	0	0	0	1
NXPE1	0	0	0	1
NXPE4	0	0	0	1
LOC283143	0	0	0	1
APOA5	0	0	0	1
APOA4	0	0	0	1
DSCAML1	0	0.0025094 inf		1
FXYD2,FXYD6,FXYD6-FXYI	0	0	0	1
TMPRSS4-AS1	0	0	0	1
MFRP	0	0.00470944 inf		1
LOC649133	0	0	0	1
MIR125B1	0	0	0	1
BLID	0	0	0	1
MIRLET7A2	0	0	0	1
MIR100	0	0	0	1
BSX	0	0	0	1
MIR4493	0	0	0	1
SCN3B	0	0.0015693 inf		1
OR6X1	0	0	0	1
OR6M1	0	0	0	1
TMEM225	0	0	0	1
OR6T1	0	0	0	1
OR10S1	0	0	0	1
OR10G7	0	0	0	1
OR8D1	0	0	0	1
OR8D2	0	0	0	1

OR8B2	0	0	0	1
OR8B3	0	0	0	1
OR8B4	0	0	0	1
OR8B8	0	0	0	1
OR8B12	0	0	0	1
PATE2	0	0	0	1
KIRREL3	0	0.0226888 inf		1
MIR3167	0	0	0	1
FLI1-AS1	0	0	0	1
SPATA19	0	0	0	1
IQSEC3	0	0	0	1
CACNA1C-IT3	0	0	0	1
GALNT8	0	0	0	1
KCNA1	0	0	0	1
KCNA5	0	0	0	1
NTF3	0	0	0	1
PLEKHG6	0	0.0142403 inf		1
MIR200C	0	0	0	1
MIR141	0	0	0	1
ACSM4	0	0	0	1
DPPA3	0	0	0	1
NANOGNB	0	0	0	1
CLEC6A	0	0	0	1
RIMKLB	0	0	0	1
KLRF1	0	0	0	1
KLRF2	0	0	0	1
CLEC12A	0	0	0	1
CLEC12B	0	0	0	1
CLEC9A	0	0	0	1
TMEM52B	0	0	0	1
MIR1244-2	0	0	0	1
MIR613	0	0	0	1
MIR614	0	0	0	1
PDE6H	0	0	0	1
SKP1P2	0	0	0	1
MIR3974	0	0	0	1
PIK3C2G	0	0	0	1
CAPZA3	0	0	0	1
LOC100506393	0	0	0	1
PDE3A	0	0	0	1
MIR920	0	0	0	1
LRMP	0	0	0	1
LOC101055625	0	0	0	1
C12orf40	0	0	0	1
LRRK2	0	0	0	1
CNTN1	0	0	0	1
MIR4698	0	0	0	1
PCED1B	0	0	0	1
C12orf68	0	0	0	1
ANP32D	0	0	0	1
C12orf54	0	0	0	1
WNT1	0	0	0	1
AQP2	0	0	0	1
AQP5	0	0	0	1
TMPRSS12	0	0	0	1
HIGD1C	0	0	0	1
ANKRD33	0	0	0	1
HOXC12	0	0	0	1
MIR196A2	0	0	0	1
MIR615	0	0	0	1
MIR148B	0	0	0	1
MUCL1	0	0	0	1
NEUROD4	0	0	0	1
OR9K2	0	0	0	1
OR10A7	0	0	0	1
OR6C74	0	0	0	1
OR6C1	0	0	0	1
OR6C3	0	0	0	1
OR6C75	0	0	0	1
OR6C65	0	0	0	1
OR6C76	0	0	0	1
OR6C2	0	0	0	1
OR6C68	0	0	0	1
OR6C4	0	0	0	1
OR2AP1	0	0	0	1
OR10P1	0	0	0	1
MIR1228	0	0	0	1
ARHGEF25	0	0	0	1
SLC26A10	0	0	0	1

MIRLET71	0	0	0	1
MIR548C	0	0	0	1
FLJ41278	0	0	0	1
MIR3913-2	0	0	0	1
TPH2	0	0	0	1
TRHDE	0	0	0	1
MIR1252	0	0	0	1
MIR5692B	0	0	0	1
OTOGL	0	0	0	1
PTPRQ	0	0	0	1
MYF6	0	0.0104066	inf	1
MYF5	0	0	0	1
ACSS3	0	0	0	1
MIR4699	0	0	0	1
LRR1Q1	0	0	0	1
ALX1	0	0	0	1
LINC00615	0	0	0	1
CLLU1	0	0	0	1
C12orf74	0	0	0	1
MIR5700	0	0	0	1
KRT19P2,MIR492	0	0	0	1
MIR331	0	0	0	1
MIR3685	0	0	0	1
PGAM1P5	0	0	0	1
RMST	0	0	0	1
MIR1251	0	0	0	1
MIR135A2	0	0	0	1
FAM71C	0	0	0	1
MIR1827	0	0	0	1
NR1H4	0	0	0	1
ANO4	0	0	0	1
SPIC	0	0	0	1
MYBPC1	0	0	0	1
ASCL1	0	0	0	1
MIR3922	0	0	0	1
RFX4	0	0	0	1
ASCL4	0	0	0	1
WSCD2	0	0	0	1
DAO	0	0	0	1
MIR4497	0	0	0	1
CCDC63	0	0	0	1
LOC100131138	0	0.0758594	inf	1
RPH3A	0	0	0	1
TBX5-AS1	0	0	0	1
HSPB8	0	0.00504149	inf	1
CCDC60	0	0	0	1
TMEM233	0	0	0	1
P2RX7	0	0.00277866	inf	1
MIR3908	0	0	0	1
LOC100128554	0	0	0	1
FLJ37505	0	0	0	1
TMEM132C	0	0	0	1
MIR3612	0	0	0	1
FZD10	0	0	0	1
PIWIL1	0	0	0	1
GPR133	0	0	0	1
MMP17	0	0	0	1
FAM138D	0	0	0	1
LOC574538	0	0	0	1
MIR3649	0	0	0	1
LOC100271702	0	0	0	1
CACNA1C-AS4	0	0	0	1
CACNA1C-AS1	0	0	0	1
LOC283440	0	0	0	1
FGF6	0	0	0	1
APOBEC1	0	0	0	1
GDF3	0	0	0	1
CLEC4C	0	0	0	1
CLEC4E	0	0	0	1
AICDA	0	0	0	1
PZP	0	0	0	1
A2MP1	0	0	0	1
MIR1244-1	0	0	0	1
KLRB1	0	0	0	1
CLECL1	0	0	0	1
CD69	0	0	0	1
CLEC2A	0	0	0	1
CLEC1B	0	0	0	1
CLEC1A	0	0	0	1

CLEC7A	0	0.00936349	inf	1
OLR1	0	0.00688827	inf	1
KLRC3	0	0	0	1
KLRC1	0	0	0	1
TAS2R7	0	0	0	1
TAS2R8	0	0	0	1
TAS2R13	0	0	0	1
TAS2R50	0	0.0121311	inf	1
TAS2R30	0	0.03694	inf	1
TAS2R42	0	0	0	1
PRB3	0	0	0	1
PRB4	0	0	0	1
PRB1	0	0	0	1
PRB2	0	0	0	1
RNU6-19	0	0	0	1
GRIN2B	0	0	0	1
ART4	0	0	0	1
MGP	0	0	0	1
ERP27	0	0	0	1
REERG	0	0	0	1
SLC15A5	0	0	0	1
RERGL	0	0	0	1
PLCZ1	0	0	0	1
SLCO1A2	0	0.00102227	inf	1
KCNJ8	0	0	0	1
SOX5	0	0	0	1
LINC00477	0	0	0	1
C12orf77	0	0	0	1
MIR4302	0	0	0	1
LOC100506451	0	0	0	1
MANSC4	0	0.00755231	inf	1
OVCH1	0	0	0	1
RNU6-78	0	0	0	1
SYT10	0	0	0	1
CPNE8	0	0	0	1
ADAMTS20	0	0.0015791	inf	1
DBX2	0	0	0	1
RNY5	0	0	0	1
AMIGO2	0	0	0	1
PCED1B-AS1	0	0.00742998	inf	1
OR10AD1	0	0	0	1
MIR4701	0	0	0	1
DHH	0	0.0575319	inf	1
C1QL4	0	0	0	1
LOC283332	0	0	0	1
MIR1293	0	0	0	1
KRT85	0	0	0	1
KRT84	0	0	0	1
KRT82	0	0	0	1
KRT75	0	0	0	1
KRT6B	0	0	0	1
KRT6C	0	0	0	1
KRT6A	0	0	0	1
KRT71	0	0	0	1
KRT74	0	0	0	1
KRT72	0	0	0	1
KRT73	0	0	0	1
KRT2	0	0	0	1
KRT1	0	0	0	1
KRT77	0	0	0	1
KRT76	0	0	0	1
KRT3	0	0	0	1
KRT78	0	0	0	1
GTSF1	0	0	0	1
PPP1R1A	0	0	0	1
GLYCAM1	0	0	0	1
LACRT	0	0	0	1
OR6C6	0	0	0	1
OR6C70	0	0	0	1
SNORD59B	0	0	0	1
SNORD59A	0	0	0	1
B4GALNT1	0	0	0	1
MIR26A2	0	0	0	1
AVPR1A	0	0	0	1
C12orf56	0	0	0	1
WIF1	0	0	0	1
IFNG	0	0	0	1
IL26	0	0	0	1
IL22	0	0	0	1

SNORA70G	0	0	0	1
MIR1279	0	0	0	1
MIR3913-1	0	0	0	1
TSPAN8	0	0	0	1
TRHDE-AS1	0	0	0	1
LOC100507377	0	0	0	1
KCNC2	0	0	0	1
LIN7A	0	0	0	1
MIR617	0	0	0	1
MIR618	0	0	0	1
PPFIA2	0	0	0	1
SLC6A15	0	0	0	1
TSPAN19	0	0	0	1
RASSF9	0	0	0	1
MGAT4C	0	0	0	1
MIR548AL	0	0	0	1
MKRN9P	0	0	0	1
LOC728084	0	0	0	1
CCER1	0	0	0	1
EPYC	0	0	0	1
KERA	0	0	0	1
DCN	0	0	0	1
CLLU1OS	0	0	0	1
LOC643339	0	0	0	1
MIR4303	0	0	0	1
SLC9A7P1	0	0	0	1
SLC5A8	0	0	0	1
IGF1	0	0.00483491	inf	1
PAH	0	0	0	1
C12orf42	0	0	0	1
LOC100287944	0	0	0	1
LOC728739	0	0	0	1
CMKLR1	0	0.00162579	inf	1
RASAL1	0	0	0	1
LHX5	0	0	0	1
TBX5	0	0	0	1
MIR620	0	0	0	1
MIR4472-2	0	0	0	1
KSR2	0	0	0	1
LOC144742	0	0	0	1
MIR4498	0	0	0	1
MORN3	0	0	0	1
IL31	0	0	0	1
HCAR3	0	0	0	1
HCAR1	0	0	0	1
MIR4304	0	0	0	1
LOC400084	0	0	0	1
LOC440117	0	0	0	1
TMEM132D	0	0	0	1
LOC100190940	0	0	0	1
FLJ31485	0	0	0	1
LRCOL1	0	0	0	1
ANHX	0	0	0	1
LINC00442	0	0	0	1
RNU6-52	0	0	0	1
LINC00421	0	0	0	1
SGCG	0	0	0	1
LINC00327	0	0	0	1
TNFRSF19	0	0	0	1
MIR2276	0	0	0	1
RNF17	0	0	0	1
ATP8A2	0	0	0	1
SNORD102	0	0	0	1
GSX1	0	0	0	1
LINC00544	0	0	0	1
LINC00398	0	0	0	1
MEDAG	0	0	0	1
TEX26	0	0	0	1
RXFP2	0	0	0	1
EEF1DP3	0	0	0	1
KL	0	0	0	1
SPG20OS	0	0	0	1
CCNA1	0	0	0	1
SERTM1	0	0	0	1
LINC00547	0	0.00210777	inf	1
LINC00366	0	0	0	1
LINC00332	0	0	0	1
RGCC	0	0	0	1
TNFSF11	0	0	0	1

FAM216B	0	0	0	1
DNAJC15	0	0	0	1
LINC00284	0	0	0	1
SERP2	0	0	0	1
SPERT	0	0	0	1
CYSLTR2	0	0	0	1
MLNR	0	0.0240852 inf		1
ARL11	0	0.00247986 inf		1
FAM124A	0	0.0026969 inf		1
MIR4703	0	0	0	1
CCDC70	0	0	0	1
MIR759	0	0	0	1
OLFM4	0	0	0	1
LINC00558	0	0	0	1
MIR5007	0	0	0	1
PRR20B	0	0	0	1
PRR20D	0	0	0	1
PRR20E	0	0	0	1
PRR20A	0	0	0	1
PRR20A	0	0	0	1
PCDH17	0	0	0	1
DIAPH3-AS1	0	0	0	1
DIAPH3-AS2	0	0	0	1
PCDH9-AS2	0	0	0	1
PCDH9-AS3	0	0	0	1
ATXN8OS	0	0	0	1
LINC00348	0	0	0	1
LINC00381	0	0	0	1
LINC00347	0	0	0	1
BTF3P11	0	0	0	1
IRG1	0	0	0	1
MYCBP2-AS1	0	0	0	1
SECL	0	0.00283037 inf		1
SLAIN1	0	0	0	1
LINC00446	0	0	0	1
POU4F1-AS1	0	0.0037211 inf		1
LINC00333	0	0	0	1
LINC00351	0	0	0	1
SLITRK5	0	0	0	1
LINC00433	0	0	0	1
MIR622	0	0	0	1
CLDN10	0	0	0	1
HS6ST3	0	0	0	1
MIR3170	0	0	0	1
FKSG29	0	0.0239506 inf		1
MIR623	0	0	0	1
MIR4306	0	0	0	1
NALCN-AS1	0	0	0	1
ITGBL1	0	0	0	1
FGF14-AS2	0	0	0	1
DAOA	0	0	0	1
LINC00343	0	0	0	1
LINC00551	0	0	0	1
LINC00443	0	0	0	1
SOX1	0	0	0	1
SPACA7	0	0	0	1
C13orf35	0	0	0	1
F7	0	0	0	1
GRK1	0	0	0	1
TMEM255B	0	0	0	1
TUBA3C	0	0	0	1
ANKRD26P3	0	0	0	1
GJB2	0	0	0	1
GJB6	0	0	0	1
MIR4499	0	0	0	1
LINC00424	0	0	0	1
BASP1P1	0	0	0	1
SPATA13-AS1	0	0	0	1
AMER2	0	0	0	1
GPR12	0	0	0	1
PRHOXNB	0	0	0	1
FLT3	0	0	0	1
LINC00297	0	0	0	1
TEX26-AS1	0	0	0	1
LINC00423	0	0	0	1
LINC00457	0	0	0	1
MAB21L1	0	0	0	1
DCLK1	0	0.00170522 inf		1
CCDC169,CCDC169-SOHLI	0	0	0	1

SPG20	0	0	0	1
CSNK1A1L	0	0	0	1
POSTN	0	0	0	1
TRPC4	0	0	0	1
STOML3	0	0	0	1
LHFP	0	0	0	1
MIR4305	0	0	0	1
LINC00548	0	0	0	1
MIR320D1	0	0	0	1
EPST11	0	0	0	1
SMIM2-IT1	0	0	0	1
FAM194B	0	0	0	1
CPB2	0	0	0	1
KIAA0226L	0	0	0	1
HTR2A	0	0	0	1
LINC00462	0	0	0	1
MIR3613	0	0	0	1
MIR16-1	0	0	0	1
MIR15A	0	0	0	1
GUCY1B2	0	0	0	1
MIR5693	0	0	0	1
MIR1297	0	0	0	1
MIR3169	0	0	0	1
PCDH20	0	0	0	1
PCDH9	0	0	0	1
LINC00550	0	0	0	1
KLHL1	0	0	0	1
CTAGE11P	0	0.00275215	inf	1
MIR3665	0	0	0	1
EDNRB	0	0.0132786	inf	1
POU4F1	0	0	0	1
LINC00331	0	0	0	1
NDFIP2-AS1	0	0	0	1
SLITRK1	0	0	0	1
SLITRK6	0	0	0	1
MIR4500HG	0	0	0	1
MIR4500	0	0	0	1
LINC00353	0	0	0	1
LINC00559	0	0	0	1
LINC00410	0	0	0	1
LINC00379	0	0	0	1
GPC5-AS1	0	0	0	1
GPC6-AS2	0	0	0	1
SOX21	0	0	0	1
CLDN10-AS1	0	0	0	1
LINC00359	0	0	0	1
OXGR1	0	0	0	1
RNF113B	0	0.00952686	inf	1
MIR548AN	0	0	0	1
GPR183	0	0	0	1
PCCA-AS1	0	0	0	1
NALCN	0	0	0	1
FGF14	0	0	0	1
MIR2681	0	0	0	1
MIR4705	0	0	0	1
FGF14-IT1	0	0	0	1
METTL21C	0	0.0089142	inf	1
CCDC168	0	0.000723498	inf	1
SLC10A2	0	0.00221633	inf	1
MIR548AS	0	0	0	1
DAOA-AS1	0	0	0	1
FAM155A	0	0	0	1
MYO16-AS1	0	0	0	1
COL4A2-AS1	0	0	0	1
ATP4B	0	0	0	1
LINC00552	0	0	0	1
OR11H12	0	0	0	1
POTEG	0	0	0	1
LOC101101776	0	0	0	1
OR4Q3	0	0	0	1
OR4M1	0	0	0	1
OR4N2	0	0	0	1
OR4K2	0	0	0	1
OR4K5	0	0	0	1
OR4K1	0	0	0	1
OR4K15	0	0	0	1
OR4L1	0	0	0	1
OR4K17	0	0	0	1
OR4N5	0	0	0	1

OR11G2	0	0	0	1
OR11H6	0	0	0	1
OR11H4	0	0	0	1
RNASE10	0	0	0	1
EDDM3A	0	0	0	1
EDDM3B	0	0	0	1
RNASE6	0	0	0	1
RNASE2	0	0	0	1
TPPP2	0	0	0	1
RNASE8	0	0	0	1
OR4E2	0	0	0	1
PSMB11	0	0	0	1
IL25	0	0	0	1
CMTM5	0	0	0	1
CPNE6	0	0	0	1
MIR4307	0	0	0	1
LINC00645	0	0	0	1
FOXG1	0	0	0	1
IGBP1P1	0	0	0	1
INSM2	0	0	0	1
LINC00609	0	0	0	1
SSTR1	0	0	0	1
MIA2	0	0	0	1
LRFN5	0	0	0	1
SNORD127	0	0	0	1
PTGDR	0	0	0	1
OTX2-AS1	0	0	0	1
LRRC9	0	0.00133549	inf	1
SIX6	0	0	0	1
FLJ22447	0	0	0	1
SYT16	0	0	0	1
LINC00643	0	0	0	1
RHOJ	0	0.00293302	inf	1
MIR4706	0	0	0	1
FAM71D	0	0	0	1
PLEKHD1	0	0	0	1
SNORD56B	0	0	0	1
LOC145474	0	0.0146962	inf	1
RGS6	0	0	0	1
MIR4505	0	0	0	1
VRTN	0	0	0	1
BATF	0	0	0	1
C14orf166B	0	0	0	1
MIR1260A	0	0	0	1
DIO2-AS1	0	0	0	1
TSHR	0	0.00232545	inf	1
FLRT2	0	0	0	1
LOC283585	0	0	0	1
FOXN3-AS2	0	0	0	1
KCNK13	0	0	0	1
LINC00642	0	0	0	1
FAM181A	0	0	0	1
SERPINA4	0	0	0	1
SERPINA5	0	0	0	1
SERPINA3	0	0	0	1
SERPINA13P	0	0	0	1
TCL6	0	0	0	1
TCL1B	0	0	0	1
LINC00617	0	0	0	1
C14orf132	0	0.00165297	inf	1
BDKRB2	0	0	0	1
BDKRB1	0	0	0	1
C14orf177	0	0	0	1
MIR5698	0	0	0	1
EML1	0	0	0	1
EVL	0	0	0	1
MIR345	0	0	0	1
SLC25A47	0	0.0124688	inf	1
LINC00523	0	0	0	1
DLK1	0	0	0	1
MIR2392	0	0	0	1
MEG3,MIR770	0	0	0	1
MIR493	0	0	0	1
MIR337	0	0	0	1
MIR665	0	0	0	1
MIR431	0	0	0	1
MIR433	0	0	0	1
MIR127	0	0	0	1
MIR432	0	0	0	1

MIR136	0	0	0	1
MEG8	0	0	0	1
SNORD113-1	0	0	0	1
SNORD113-2	0	0	0	1
SNORD113-4	0	0	0	1
SNORD113-5	0	0	0	1
SNORD113-6	0	0	0	1
SNORD113-7	0	0	0	1
SNORD113-9	0	0	0	1
SNORD114-1	0	0	0	1
SNORD114-2	0	0	0	1
SNORD114-3	0	0	0	1
SNORD114-4	0	0	0	1
SNORD114-5	0	0	0	1
SNORD114-6	0	0	0	1
SNORD114-7	0	0	0	1
SNORD114-8	0	0	0	1
SNORD114-9	0	0	0	1
SNORD114-10	0	0	0	1
SNORD114-11	0	0	0	1
SNORD114-12	0	0	0	1
SNORD114-13	0	0	0	1
SNORD114-14	0	0	0	1
SNORD114-15	0	0	0	1
SNORD114-16	0	0	0	1
SNORD114-17	0	0	0	1
SNORD114-18	0	0	0	1
SNORD114-19	0	0	0	1
SNORD114-20	0	0	0	1
SNORD114-21	0	0	0	1
SNORD114-22	0	0	0	1
SNORD114-23	0	0	0	1
SNORD114-24	0	0	0	1
SNORD114-25	0	0	0	1
SNORD114-26	0	0	0	1
SNORD114-27	0	0	0	1
SNORD114-28	0	0	0	1
SNORD114-29	0	0	0	1
SNORD114-30	0	0	0	1
SNORD114-31	0	0	0	1
MIR379	0	0	0	1
MIR411	0	0	0	1
MIR299	0	0	0	1
MIR380	0	0	0	1
MIR1197	0	0	0	1
MIR323A	0	0	0	1
MIR758	0	0	0	1
MIR329-1	0	0	0	1
MIR329-2	0	0	0	1
MIR494	0	0	0	1
MIR1193	0	0	0	1
MIR543	0	0	0	1
MIR495	0	0	0	1
MIR376C	0	0	0	1
MIR376A2	0	0	0	1
MIR654	0	0	0	1
MIR376B	0	0	0	1
MIR376A1	0	0	0	1
MIR300	0	0	0	1
MIR1185-1	0	0	0	1
MIR1185-2	0	0	0	1
MIR381	0	0	0	1
MIR487B	0	0	0	1
MIR539	0	0	0	1
MIR889	0	0	0	1
MIR655	0	0	0	1
MIR487A	0	0	0	1
MIR382	0	0	0	1
MIR134	0	0	0	1
MIR668	0	0	0	1
MIR485	0	0	0	1
MIR323B	0	0	0	1
MIR154	0	0	0	1
MIR496	0	0	0	1
MIR377	0	0	0	1
MIR541	0	0	0	1
MIR409	0	0	0	1
MIR412	0	0	0	1
MIR369	0	0	0	1

MIR410	0	0	0	1
MIR656	0	0	0	1
MEG9	0	0	0	1
DIO3	0	0	0	1
MIR4309	0	0	0	1
ASPG	0	0.00878172	inf	1
MIR203	0	0	0	1
C14orf180	0	0.00889905	inf	1
PLD4	0	0	0	1
KIAA0125	0	0	0	1
LINC00226	0	0	0	1
LINC00221	0	0	0	1
LOC642426	0	0	0	1
LOC101101776	0	0	0	1
POTEM	0	0	0	1
OR4K14	0	0	0	1
OR4K13	0	0	0	1
SNORD126	0	0	0	1
KLHL33	0	0	0	1
RNASE9	0	0	0	1
OR6S1	0	0	0	1
RNASE1	0	0	0	1
RNASE13	0	0	0	1
OR5AU1	0	0	0	1
HNRNPC	152.264	151.648	0	1
SNORD9	0	7.83765	inf	1
SALL2	0	0	0	1
OR10G3	0	0	0	1
OR10G2	0	0	0	1
CEBPE	0	0	0	1
EFS	0	0	0	1
MYH6	0	0	0	1
MIR208A	0	0	0	1
MYH7	0	0	0	1
MIR208B	0	0	0	1
CMA1	0	0	0	1
CTSG	0	0	0	1
GZMH	0	0	0	1
GZMB	0	0	0	1
MIR548AI	0	0	0	1
PRKD1	0	0	0	1
MIR624	0	0	0	1
GPR33	0	0	0	1
EGLN3	0	0	0	1
SFTA3	0	0	0	1
NKX2-1	0	0	0	1
NKX2-8	0	0	0	1
MIR4503	0	0	0	1
CLEC14A	0	0	0	1
LINC00639	0	0	0	1
FSCB	0	0	0	1
RPL10L	0	0	0	1
MIR548Y	0	0	0	1
LINC00648	0	0	0	1
MIR5580	0	0	0	1
MIR4308	0	0	0	1
TBPL2	0	0	0	1
OTX2	0	0	0	1
C14orf39	0	0	0	1
SIX1	0	0.00478999	inf	1
TMEM30B	0	0	0	1
KCNH5	0	0	0	1
GPHB5	0	0	0	1
MIR4708	0	0	0	1
CCDC177	0	0	0	1
SLC8A3	0	0	0	1
RNU6-6	0	0	0	1
ZDHHC22	0	0	0	1
GALC	0	0	0	1
KCNK10	0	0	0	1
TTC7B	0	0	0	1
CATSPERB	0	0	0	1
PRIMA1	0	0	0	1
FAM181A-AS1	0	0	0	1
ASB2	0	0	0	1
SERPINA6	0	0	0	1
SERPINA11	0	0	0	1
SERPINA9	0	0	0	1
SERPINA12	0	0	0	1

GSC	0	0	0	1
MIR3173	0	0	0	1
TCL1A	0	0	0	1
LOC100129345	0	0	0	1
C14orf64	0	0	0	1
RTL1	0	0	0	1
DIO3OS	0	0	0	1
MIR1247	0	0	0	1
LINC00605	0	0	0	1
RD3L	0	0	0	1
MIR3545	0	0	0	1
TMEM179	0	0	0	1
MIR4710	0	0	0	1
ELK2AP	0	0	0	1
ADAM6	0	0	0	1
CHEK2P2	0	0	0	1
GOLGA8CP	0	0	0	1
CT60	0	0	0	1
OR4M2	0	0	0	1
OR4N4	0	0	0	1
OR4N3P	0	0	0	1
REREP3	0	0	0	1
GOLGA6L1	0	0	0	1
MKRN3	0	0	0	1
PWRN1	0	0	0	1
PAR-SN	0	0	0	1
SNORD109A	0	0	0	1
SNORD116-1	0	0	0	1
SNORD116-2	0	0	0	1
SNORD116-9	0	0	0	1
SNORD116-4	0	0	0	1
SNORD116-5	0	0	0	1
SNORD116-6	0	0	0	1
SNORD116-7	0	0	0	1
SNORD116-8	0	0	0	1
SNORD116-9	0	0	0	1
SNORD116-10	0	0	0	1
SNORD116-11	0	0	0	1
SNORD116-12	0	0	0	1
SNORD116-13	0	0	0	1
SNORD116-14	0	0	0	1
SNORD116-15	0	0	0	1
SNORD116-16	0	0	0	1
SNORD116-17	0	0	0	1
SNORD116-18	0	0	0	1
SNORD116-19	0	0	0	1
SNORD116-20	0	0	0	1
SNORD116-21	0	0	0	1
SNORD116-22	0	0	0	1
SNORD116-23	0	0	0	1
SNORD116-24	0	0	0	1
SNORD116-25	0	0	0	1
SNORD116-26	0	0	0	1
SNORD116-27	0	0	0	1
SNORD116-28	0	0	0	1
SNORD116-29	0	0	0	1
PAR1	0	0	0	1
SNORD115-1	0	0	0	1
SNORD115-2	0	0	0	1
SNORD115-3	0	0	0	1
SNORD115-4	0	0	0	1
SNORD115-5	0	0	0	1
SNORD115-6	0	0	0	1
SNORD115-7	0	0	0	1
SNORD115-8	0	0	0	1
SNORD115-9	0	0	0	1
SNORD115-10	0	0	0	1
SNORD115-43	0	0	0	1
SNORD115-10	0	0	0	1
SNORD115-13	0	0	0	1
SNORD115-14	0	0	0	1
SNORD115-16	0	0	0	1
SNORD115-18	0	0	0	1
SNORD115-18	0	0	0	1
SNORD115-17	0	0	0	1
SNORD115-15,SNORD115-	0	0	0	1
SNORD115-22	0	0	0	1
PAR4	0	0	0	1
SNORD115-24	0	0	0	1

SNORD115-25	0	0	0	1
SNORD115-26	0	0	0	1
SNORD115-27	0	0	0	1
SNORD115-28	0	0	0	1
SNORD115-11	0	0	0	1
SNORD115-30	0	0	0	1
SNORD115-31	0	0	0	1
SNORD115-32	0	0	0	1
SNORD115-33	0	0	0	1
SNORD115-35	0	0	0	1
SNORD115-11	0	0	0	1
SNORD115-37	0	0	0	1
SNORD115-38	0	0	0	1
SNORD115-39	0	0	0	1
SNORD115-40	0	0	0	1
SNORD115-41	0	0	0	1
SNORD115-10	0	0	0	1
SNORD115-11	0	0	0	1
SNORD115-44	0	0	0	1
SNORD115-45	0	0	0	1
SNORD115-47	0	0	0	1
SNORD115-48	0	0	0	1
SNORD109B	0	0	0	1
LOC100128714	0	0	0	1
LOC503519	0	0	0	1
GABRA5	0	0	0	1
GABRG3	0	0	0	1
GOLGA8F,GOLGA8G	0	0	0	1
MIR4509-1	0	0	0	1
LOC100289656	0	0	0	1
ULK4P3	0	0	0	1
ULK4P2	0	0	0	1
GREM1	0	0	0	1
ATPBD4-AS1	0	0.00596685	inf	1
MIR4510	0	0	0	1
TMCO5A	0	0	0	1
C15orf53	0	0	0	1
C15orf54	0	0	0	1
THBS1	0	0	0	1
PHGR1	0	0	0	1
MIR626	0	0	0	1
ADAL	0	0.00528328	inf	1
RNU6-28	0	0	0	1
C15orf43	0	0	0	1
DUOXA2	0	0	0	1
SEMA6D	0	0	0	1
SLC24A5	0	0	0	1
CTXN2	0	0	0	1
SLC12A1	0	0	0	1
MIR4712	0	0	0	1
MIR4713	0	0	0	1
GLDN	0	0.00219632	inf	1
SCG3	0	0.00589205	inf	1
UNC13C	0	0	0	1
AQP9	0	0	0	1
LIPC	0	0	0	1
FOXB1	0	0	0	1
MIR190A	0	0	0	1
MIR4311	0	0	0	1
MIR548H4	0	0	0	1
NOX5,SPESP1	0	0	0	1
LINC00277	0	0	0	1
LINC00593	0	0	0	1
TMEM202	0	0	0	1
MIR630	0	0	0	1
GOLGA6B	0	0	0	1
C15orf60	0	0	0	1
TBC1D21	0	0	0	1
ISLR	0	0	0	1
CCDC33	0	0	0	1
CYP1A2	0	0.00469737	inf	1
GOLGA6D	0	0	0	1
LOC253044	0	0	0	1
MIR5003	0	0	0	1
CRABP1	0	0	0	1
LOC646938	0	0	0	1
MIR184	0	0	0	1
ANKRD34C	0	0	0	1
LOC390660	0	0	0	1

UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	0	0	0	1
LOC440297	0	0	0	1
LOC390660	0	0	0	1
UBE2Q2P2,UBE2Q2P3	0	0	0	1
LOC440297	0	0	0	1
LOC283692	0	0	0	1
SCARNA15	0	0	0	1
MIR4515	0	0	0	1
TM6SF1	0	0	0	1
SH3GL3	0	0	0	1
ADAMTSL3	0	0	0	1
AGBL1	0	0	0	1
LINC00052	0	0.00636342	inf	1
NTRK3-AS1	0	0	0	1
MIR1179	0	0	0	1
MIR7-2	0	0	0	1
ACAN	0	0	0	1
MIR9-3	0	0	0	1
LOC254559	0	0	0	1
SV2B	0	0.000827173	inf	1
ST8SIA2	0	0	0	1
C15orf32	0	0	0	1
MIR3175	0	0	0	1
MIR1469	0	0	0	1
SPATA8	0	0	0	1
MIR4714	0	0	0	1
OR4F6	0	0	0	1
OR4F15	0	0	0	1
OR4F13P	0	0	0	1
FAM138E	0	0	0	1
GOLGA6L6	0	0	0	1
POTEB	0	0	0	1
NF1P2	0	0	0	1
CXADRP2	0	0	0	1
POTEB	0	0	0	1
NF1P2	0	0	0	1
MIR4509-3	0	0	0	1
GOLGA8DP	0	0	0	1
LOC440243	0	0	0	1
MIR4508	0	0	0	1
MAGEL2	0	0	0	1
NDN	0	0	0	1
PWRN2	0	0	0	1
ATP10A	0	0	0	1
MIR4715	0	0	0	1
MIR4509-1	0	0	0	1
GOLGA8F,GOLGA8G	0	0	0	1
FAM189A1	0	0	0	1
TRPM1	0	0	0	1
MIR211	0	0	0	1
LOC283710	0	0	0	1
ULK4P1,ULK4P3	0	0.010349	inf	1
TMCO5B	0	0	0	1
MIR1233-2	0	0	0	1
MIR1233-1	0	0	0	1
GJD2	0	0	0	1
ACTC1	0	0.00515904	inf	1
MIR3942	0	0	0	1
LOC145845	0	0	0	1
MIR4310	0	0	0	1
PLA2G4E	0	0.0068772	inf	1
PLA2G4F	0	0	0	1
MIR627	0	0	0	1
EPB42	0	0	0	1
TGM5	0	0	0	1
TGM7	0	0	0	1
LCMT2	0	0	0	1
MIR4716	0	0	0	1
CYP19A1	0	0	0	1
MIR1266	0	0	0	1
WDR72	0	0	0	1
MIR628	0	0	0	1
PYGO1	0	0	0	1
PRTG	0	0	0	1
ALDH1A2	0	0	0	1
MIR2116	0	0	0	1
C2CD4B	0	0	0	1
MGC15885	0	0	0	1
MIR1272	0	0	0	1

RASL12	0	0.021264	inf	1
MIR4511	0	0	0	1
SNORD18C	0	316.135	inf	1
SNORD18B	0	0	0	1
SNORD18A	0	0	0	1
MIR4312	0	0	0	1
MIR629	0	0	0	1
C15orf59	0	0	0	1
GOLGA6A	0	0	0	1
CYP11A1	0	0	0	1
MIR4513	0	0	0	1
MIR631	0	0	0	1
MIR4313	0	0	0	1
LINC00597	0	0.0050766	inf	1
LOC645752	0	0	0	1
CHRNA4	0	0	0	1
ADAMTS7	0	0	0	1
LOC729911	0	0	0	1
MIR549	0	0	0	1
MIR4514	0	0	0	1
TMC3	0	0.0070064	inf	1
LOC440297	0	0	0	1
AGSK1.LOC727849	0	0	0	1
AP3B2	0	0.00291468	inf	1
FSD2	0	0.00681103	inf	1
BNC1	0	0	0	1
LOC642423	0	0	0	1
MIR1276	0	0	0	1
LOC727915	0	0	0	1
MIR3529	0	0	0	1
RLBP1	0	0	0	1
RHCG	0	0	0	1
LOC283761	0	0	0	1
MIR5094	0	0	0	1
RGMA	0	0	0	1
LOC400456	0	0	0	1
FAM169B	0	0	0	1
DNM1P46	0	0	0	1
OR4F4	0	0	0	1
DDX11L9	0	0	0	1
DDX11L10	0	0	0	1
HBZ	0	0	0	1
HBM	0	0	0	1
HBQ1	0	0.282148	inf	1
MIR5587	0	0	0	1
MIR3176	0	0	0	1
MIR662	0	0	0	1
PRR25	0	0	0	1
TPSAB1	0	0.0176425	inf	1
TPSD1	0	0	0	1
TMEM204	0	0.0110664	inf	1
MIR3177	0	0	0	1
MIR4516	0	0	0	1
MIR3677	0	0	0	1
MIR940	0	0	0	1
MIR4717	0	0	0	1
NTN3	0	0.0184616	inf	1
PRSS41	0	0	0	1
ZG16B	0	0	0	1
OR1F1	0	0	0	1
OR2C1	0	0.0142967	inf	1
C16orf96	0	0.00690895	inf	1
RBFOX1	0	0	0	1
MIR548X	0	0	0	1
CIITA	0	0.00322909	inf	1
TNFRSF17	0	0	0	1
MIR4718	0	0	0	1
MIR193B	0	0	0	1
MIR365A	0	0	0	1
MIR3179-3	0	0	0	1
MIR3180-3	0	0	0	1
MIR3179-1	0	0	0	1
MIR3180-1	0	0	0	1
ABCC6P1	0	0.00299323	inf	1
CLEC19A	0	0	0	1
ACSM5	0	0	0	1
ACSM2A	0	0	0	1
MIR548D2	0	0	0	1
HS3ST2	0	0	0	1

SCNN1G	0	0	0	1
SCNN1B	0	0	0	1
CHP2	0	0	0	1
PRKCB	0	0	0	1
CACNG3	0	0	0	1
HS3ST4	0	0	0	1
C16orf82	0	0	0	1
FLJ21408	0	0	0	1
CD19	0	0	0	1
MIR4517	0	0	0	1
LOC606724	0	0	0	1
SLX1A,SLX1B,SULT1A3	0	0	0	1
ZG16	0	0	0	1
C16orf92	0	0	0	1
MIR4518	0	0	0	1
SNORA30	0	0	0	1
TP53TG3D	0	0	0	1
TP53TG3,TP53TG3B	0	0	0	1
TP53TG3,TP53TG3B	0	0	0	1
LOC283914	0	0	0	1
MIR548AE2	0	0	0	1
C16orf78	0	0	0	1
NOD2	0	0.00276967	inf	1
MMP2	0	0	0	1
SLC6A2	0	0	0	1
CES1P2	0	0	0	1
CES1P1	0	0	0	1
MIR3935	0	0	0	1
MT4	0	0	0	1
MT3	0	0	0	1
MT1A	0	0.132304	inf	1
MIR138-2	0	0	0	1
SLC12A3	0	0	0	1
CCL22	0	0.00467217	inf	1
CX3CL1	0	0	0	1
CCL17	0	0.0671672	inf	1
GPR97	0	0	0	1
TEPP	0	0	0	1
LRRC36	0	0	0	1
CDH1	0	0	0	1
MIR140	0	0	0	1
MIR1972-2	0	0	0	1
CLEC18C	0	0.00914761	inf	1
SNORD111B	0	0	0	1
SNORD111	0	0	0	1
CHST4	0	0.00497551	inf	1
HPR	0	0	0	1
HTA	0	0	0	1
LOC100506172	0	0	0	1
CTRB1	0	0	0	1
CNTNAP4	0	0	0	1
MIR4719	0	0	0	1
VAT1L	0	0	0	1
CLEC3A	0	0	0	1
DYNLRB2	0	0	0	1
BCMO1	0	0	0	1
MIR4720	0	0	0	1
HSD17B2	0	0.00761698	inf	1
CDH13	0	0	0	1
MIR3182	0	0	0	1
ADAD2	0	0.0202924	inf	1
WFDC1	0	0	0	1
LOC400548	0	0.0061721	inf	1
IRF8	0	0	0	1
LOC146513	0	0	0	1
FOXC2	0	0	0	1
MIR5189	0	0	0	1
TPSG1	0	0	0	1
TPSB2	0	0	0	1
LINC00254	0	0	0	1
HS3ST6	0	0	0	1
RPL3L	0	0	0	1
MIR1225	0	0	0	1
MIR3180-5	0	0	0	1
MIR3178	0	0	0	1
C16orf90	0	0	0	1
TMEM114	0	0	0	1
GRIN2A	0	0.000542191	inf	1
TNP2	0	0	0	1

PRM3	0	0	0	1
PRM2	0	0	0	1
PRM1	0	0	0	1
ABCC6P2	0	0	0	1
MIR3180-4	0	0	0	1
MIR3180-1	0	0	0	1
MIR3179-1	0	0	0	1
GPRC5B	0	0	0	1
GPR139	0	0	0	1
GP2	0	0	0	1
UMOD	0	0	0	1
PDILT	0	0	0	1
ACSM2B	0	0	0	1
ZP2	0	0.00371645	inf	1
IGSF6	0	0	0	1
MIR548AA2	0	0	0	1
IL27	0	0	0	1
BOLA2B	0	0	0	1
LOC388242	0	0	0	1
BOLA2B	0	0	0	1
LOC388242	0	0	0	1
MIR4519	0	0	0	1
COX6A2	0	0	0	1
LOC390705	0	0	0	1
TP53TG3	0	0	0	1
LOC390705	0	0	0	1
RNU6-76	0	0	0	1
LOC146481	0	0	0	1
LOC100130700	0	0	0	1
ABCC12	0	0	0	1
CBLN1	0	0	0	1
SNX20	0	0.0185621	inf	1
SALL1	0	0	0	1
C16orf97	0	0	0	1
LOC100505619	0	0	0	1
TOX3	0	0	0	1
LOC643714	0	0	0	1
LOC643802	0	0	0	1
IRX3	0	0	0	1
CES1	0	0	0	1
CES5A	0	0	0	1
LOC283856	0	0	0	1
DKFZP434H168	0	0	0	1
CNGB1	0	0	0	1
LOC644649	0	0	0	1
CDH8	0	0	0	1
CDH11	0	0	0	1
CDH16	0	0	0	1
MIR328	0	0	0	1
AGRP	0	0	0	1
DPEP3	0	0.00985272	inf	1
MIR1538	0	0	0	1
SNORA70D	0	0	0	1
SNORD71	0	0	0	1
CTRB2	0	0	0	1
ADAMTS18	0	0	0	1
SDR42E1	0	0	0	1
KCNG4	0	0	0	1
FAM92B	0	0	0	1
MIR5093	0	0	0	1
MIR1910	0	0	0	1
LOC732275	0	0	0	1
CA5A	0	0	0	1
MIR4722	0	0	0	1
BHLHA9	0	0	0	1
TUSC5	0	0	0	1
OR1A2	0	0	0	1
OR1A1	0	0	0	1
OR1D4	0	0	0	1
OR3A4P	0	0	0	1
OR3A3	0	0	0	1
ASPA	0	0	0	1
TM4SF5	0	0	0	1
LOC100130950	0	0	0	1
WSCD1	0	0	0	1
MIR4520B	0	0	0	1
ALOX15P1	0	0	0	1
FBXO39	0	0	0	1
ALOX12P2	0	0.0144451	inf	1

BCL6B	0	0	0	1
TMEM95	0	0.0199978 inf		1
ATP1B2	0	0.0078187 inf		1
RPL29P2	0	0	0	1
GUCY2D	0	0.00473249 inf		1
MIR4314	0	0	0	1
MIR4521	0	0	0	1
MIR3676	0	0	0	1
ARHGEF15	0	0	0	1
ODF4	0	0	0	1
GLP2R	0	0	0	1
TMEM220-AS1	0	0	0	1
SHISA6	0	0	0	1
MIR744	0	0	0	1
LINC00670	0	0	0	1
MYOCD	0	0	0	1
CDRT7	0	0	0	1
CDRT15P2	0	0	0	1
MIR1288	0	0	0	1
SNORD49A	0	0	0	1
SNORD65	0	0	0	1
SMCR9	0	0	0	1
EVPLL	0	0.00823808 inf		1
LOC339240	0	0	0	1
KRT16P1	0	0	0	1
LGALS9C	0	0	0	1
GRAPL	0	0	0	1
SLC47A1	0	0	0	1
SNORA59B	0	0	0	1
CDRT15L2	0	0	0	1
FAM27L	0	0	0	1
FLJ36000	0	0	0	1
TBC1D3P5	0	0	0	1
PPY2	0	0	0	1
MIR4723	0	0	0	1
SLC13A2	0	0	0	1
FOXN1	0	0	0	1
SNORD42B	0	0	0	1
SNORD4A	0	108.296 inf		1
SNORD42A	0	0	0	1
SNORD4B	0	121.809 inf		1
MIR451B	0	0	0	1
MIR4523	0	0	0	1
MIR423	0	0	0	1
TBC1D29	0	0	0	1
MIR193A	0	0	0	1
MIR4725	0	0	0	1
MIR365B	0	0	0	1
CCL2	0	0.0533244 inf		1
CCL7	0	0	0	1
CCL11	0	0.0116112 inf		1
CCL8	0	0	0	1
CCL13	0	0	0	1
TMEM132E	0	0	0	1
SNORD7	0	0	0	1
CCL18	0	0	0	1
CCL4	0	0	0	1
CCL4L1	0	0	0	1
CCL4L2	0	0	0	1
LHX1	0	0	0	1
MIR2909	0	0	0	1
MIR4726	0	0	0	1
MIR4727	0	0	0	1
PNMT	0	0	0	1
MIR4728	0	0	0	1
ZPBP2	0	0	0	1
LRRC3C	0	0	0	1
CSF3	0	0.0773726 inf		1
SNORD124	0	0	0	1
IGFBP4	0	0.00630614 inf		1
KRTAP9-1	0	0	0	1
KRTAP9-2	0	0	0	1
KRTAP9-3	0	0	0	1
KRTAP9-8	0	0	0	1
KRTAP9-4	0	0	0	1
KRTAP9-9	0	0	0	1
LOC100505782	0	0	0	1
GAST	0	0	0	1
RAMP2	0	0	0	1

MIR2117	0	0	0	1
C17orf105	0	0	0	1
SPPL2C	0	0	0	1
MAPT-IT1	0	0	0	1
STH	0	0	0	1
NSFP1	0	0	0	1
WNT9B	0	0	0	1
MIR5089	0	0	0	1
ITGB3	0	0	0	1
TBX21	0	0	0	1
IGF2BP1	0	0	0	1
B4GALNT2	0	0	0	1
FLJ40194	0	0	0	1
NGFR	0	0	0	1
SGCA	0	0	0	1
ABCC3	0	0	0	1
WFIKKN2	0	0	0	1
C17orf112	0	0	0	1
KIF2B	0	0	0	1
NOG	0	0	0	1
RNF126P1	0	0	0	1
OR4D1	0	0	0	1
OR4D2	0	0	0	1
LPO	0	0	0	1
MIR4729	0	0	0	1
MIR21	0	0	0	1
CA4	0	0	0	1
MIR548W	0	0	0	1
MIR634	0	0	0	1
CACNG5	0	0	0	1
CACNG4	0	0.00495086	inf	1
CACNG1	0	0	0	1
SNORA38B	0	1.23543	inf	1
MIR4524B	0	0	0	1
KCNJ16	0	0	0	1
KCNJ2	0	0	0	1
SOX9	0	0	0	1
LOC400620	0	0	0	1
KIF19	0	0	0	1
GPR142	0	0	0	1
CD300A	0	0	0	1
C17orf77	0	0	0	1
MIR3678	0	0	0	1
RNF157-AS1	0	0	0	1
SNORD1C	0	0	0	1
SNORD1B	0	0	0	1
SNORD1A	0	0	0	1
LOC100507351	0	0	0	1
C17orf99	0	0.0152447	inf	1
TMEM235	0	0	0	1
ENPP7	0	0	0	1
MIR4730	0	0	0	1
MIR3065	0	0	0	1
GCGR	0	0	0	1
UTS2R	0	0	0	1
MIR3183	0	0	0	1
RTN4RL1	0	0.00469377	inf	1
MIR132	0	0	0	1
MIR212	0	0	0	1
SNORD91B	0	0	0	1
SNORD91A	0	0	0	1
MIR1253	0	0	0	1
OR1D5	0	0	0	1
OR1D2	0	0	0	1
OR1G1	0	0	0	1
OR3A2	0	0	0	1
OR3A1	0	0	0	1
OR1E1	0	0	0	1
OR1E2	0	0	0	1
SPATA22	0	0	0	1
P2RX1	0	0	0	1
GGT6	0	0.00609804	inf	1
ALOX15	0	0.00573656	inf	1
ZNF594	0	0	0	1
SCIMP	0	0	0	1
MIR4520A	0	0	0	1
MIR195	0	0	0	1
MIR497	0	0	0	1
CLEC10A	0	0	0	1

ASGR2	0	0	0	1
MIR324	0	0	0	1
SPDYE4	0	0	0	1
MFSD6L	0	0	0	1
PIK3R6	0	0	0	1
DHRS7C	0	0	0	1
MYH13	0	0	0	1
MYH8	0	0	0	1
MYH4	0	0	0	1
MYH2	0	0	0	1
PIRT	0	0	0	1
HS3ST3A1	0	0	0	1
CDRT15	0	0.0602495	inf	1
MIR4731	0	0	0	1
TNFRSF13B	0	0	0	1
MIR33B	0	0	0	1
FAM106A	0	0	0	1
EPN2-AS1	0	0.0194593	inf	1
MIR1180	0	0	0	1
SLC47A2	0	0	0	1
ALDH3A1	0	0	0	1
LGALS9B	0	0	0	1
KRT16P3	0	0.00675159	inf	1
CCDC144NL	0	0	0	1
MIR4522	0	0	0	1
KRT18P55	0	0.00546009	inf	1
SEBOX	0	0.0250833	inf	1
MIR451A	0	0	0	1
MIR144	0	0	0	1
MIR4732	0	0	0	1
SEZ6	0	0	0	1
MIR3184	0	0	0	1
TMIGD1	0	0	0	1
MIR4733	0	0	0	1
ASIC2	0	0	0	1
AAO6	0	0	0	1
CCL1	0	0	0	1
C17orf102	0	0	0	1
SLC35G3	0	0.0152944	inf	1
SLFN11	0	0	0	1
SLFN12	0	0	0	1
SLFN12L	0	0	0	1
SLFN14	0	0	0	1
GAS2L2	0	0	0	1
MMP28	0	0	0	1
C17orf66	0	0	0	1
LYZL6	0	0	0	1
CCL16	0	0	0	1
CCL14,CCL15	0	0	0	1
CCL23	0	0	0	1
TBC1D3B	0	0.00769849	inf	1
CCL3L1	0	0	0	1
TBC1D3H	0	0	0	1
HNF1B	0	0	0	1
LOC284100	0	0	0	1
TBC1D3	0	0	0	1
MIR4734	0	0	0	1
FBXO47	0	0	0	1
ARL5C	0	0	0	1
CCR7	0	0	0	1
KRT24	0	0	0	1
KRT25	0	0	0	1
KRT26	0	0	0	1
KRT27	0	0	0	1
KRT28	0	0	0	1
KRT12	0	0.0117531	inf	1
KRT20	0	0	0	1
KRT23	0	0	0	1
KRT39	0	0	0	1
KRT40	0	0	0	1
KRTAP3-1	0	0	0	1
KRTAP1-5	0	0	0	1
KRTAP1-4	0	0	0	1
KRTAP1-3	0	0	0	1
KRTAP1-1	0	0	0	1
KRTAP4-12	0	0	0	1
KRTAP4-5	0	0	0	1
KRTAP4-4	0	0	0	1
KRTAP4-3	0	0	0	1

KRTAP4-2	0	0	0	1
KRTAP4-1	0	0	0	1
KRTAP29-1	0	0	0	1
KRTAP16-1	0	0	0	1
KRTAP17-1	0	0	0	1
KRT33A	0	0	0	1
KRT33B	0	0	0	1
KRT31	0	0	0	1
KRT37	0	0	0	1
KRT38	0	0	0	1
KRT32	0	0.00793146	inf	1
KRT35	0	0	0	1
KRT36	0	0	0	1
KRT13	0	0	0	1
LOC147093	0	0	0	1
KRT9	0	0	0	1
KRT14	0	0	0	1
KRT16	0	0.0192009	inf	1
KRT42P	0	0.00376808	inf	1
HAP1	0	0	0	1
KCNH4	0	0	0	1
C1QL1	0	0	0	1
LOC644172	0	0	0	1
MAPT-AS1	0	0	0	1
MIR152	0	0	0	1
SKAP1	0	0.00753308	inf	1
MIR1203	0	0	0	1
HOXB1	0	0	0	1
MIR10A	0	0	0	1
MIR196A1	0	0	0	1
PRAC	0	0	0	1
MIR3185	0	0	0	1
GIP	0	0	0	1
GNGT2	0	0	0	1
PHOSPHO1	0	0.0107431	inf	1
TAC4	0	0	0	1
DLX3	0	0	0	1
HILS1	0	0	0	1
LINC00483	0	0.0104558	inf	1
CA10	0	0	0	1
TMEM100	0	0	0	1
MTVR2	0	0	0	1
MPO	0	0	0	1
BZRAP1	0	0	0	1
MIR142	0	0	0	1
MIR4736	0	0	0	1
MIR454	0	0	0	1
MIR301A	0	0	0	1
MIR4737	0	0	0	1
TBC1D3P2	0	0	0	1
CSH2	0	0	0	1
GH2	0	0	0	1
CSH1	0	0	0	1
CSHL1	0	0	0	1
GH1	0	0	0	1
MIR3064	0	0	0	1
APOH	0	0	0	1
MIR635	0	0	0	1
ABCA8	0	0	0	1
MIR4524A	0	0	0	1
KCNJ2-AS1	0	0	0	1
LINC00469	0	0	0	1
BTBD17	0	0	0	1
CD300LB	0	0	0	1
CD300LD	0	0	0	1
CD300LF	0	0	0	1
FADS6	0	0	0	1
MIR4738	0	0	0	1
FOXJ1	0	0	0	1
ST6GALNAC1	0	0	0	1
MIR4316	0	0	0	1
MIR4739	0	0	0	1
NPTX1	0	0	0	1
MIR657	0	0	0	1
MIR338	0	0	0	1
MIR1250	0	0	0	1
TMEM105	0	0.00860606	inf	1
LOC100130370	0	0	0	1
MIR4740	0	0	0	1

MIR3186	0	0	0	1
CETN1	0	0	0	1
ADCYAP1	0	0	0	1
DLGAP1-AS3	0	0	0	1
DLGAP1-AS5	0	0	0	1
LOC645355	0	0	0	1
MIR3976	0	0	0	1
LOC100130480	0	0	0	1
ARHGAP28	0	0	0	1
LRR30	0	0	0	1
RAB31	0	0	0	1
TXNDC2	0	0	0	1
APCDD1	0	0	0	1
C18orf61	0	0	0	1
CIDEA	0	0.0126932 inf	0	1
MIR5190	0	0	0	1
MIR4526	0	0	0	1
MC5R	0	0	0	1
ANKRD30B	0	0	0	1
MIR3156-2	0	0	0	1
MIR320C1	0	0	0	1
LAMA3	0	0	0	1
MIR320C2	0	0	0	1
LOC729950	0	0	0	1
PSMA8	0	0	0	1
MIR302F	0	0	0	1
DSG1	0	0	0	1
DSG4	0	0	0	1
TTR	0	0	0	1
WBP11P1	0	0	0	1
ASXL3	0	0	0	1
DTNA	0	0	0	1
MIR3975	0	0	0	1
MIR4318	0	0	0	1
MIR5583-1	0	0	0	1
SLC14A1	0	0	0	1
SIGLEC15	0	0	0	1
MIR4743	0	0	0	1
MIR1539	0	0	0	1
MAPK4	0	0	0	1
LOC100287225	0	0	0	1
DCC	0	0	0	1
DYNAP	0	0	0	1
MIR4529	0	0	0	1
BOD1L2	0	0	0	1
MIR122	0	0	0	1
OACYLP	0	0	0	1
GRP	0	0	0	1
SERPINB5	0	0	0	1
SERPINB12	0	0	0	1
SERPINB13	0	0	0	1
SERPINB11	0	0	0	1
SERPINB10	0	0	0	1
LOC284294	0	0	0	1
CDH7	0	0	0	1
MIR5011	0	0	0	1
LOC643542	0	0	0	1
LOC100505817	0	0.00724989 inf	0	1
C18orf63	0	0	0	1
LOC339298	0	0	0	1
GALLR1	0	0	0	1
SALL3	0	0	0	1
KCNG2	0	0.0722724 inf	0	1
COLEC12	0	0	0	1
DLGAP1	0	0.00221097 inf	0	1
EPB41L3	0	0	0	1
TMEM200C	0	0	0	1
L3MBTL4	0	0	0	1
MIR4317	0	0	0	1
LINC00668	0	0	0	1
LOC100192426	0	0	0	1
PIEZO2	0	0	0	1
LOC100288122	0	0	0	1
CXADRP3	0	0	0	1
POTEC	0	0	0	1
LOC644669	0	0	0	1
MIR133A1	0	0	0	1
MIR1-2	0	0	0	1
CTAGE1	0	0	0	1

ANKRD29	0	0	0	1
LOC728606	0	0	0	1
CHST9	0	0	0	1
DSC2	0	0	0	1
DSC1	0	0.00179597	inf	1
SLC25A52	0	0	0	1
CCDC178	0	0	0	1
NOL4	0	0	0	1
MIR187	0	0	0	1
CELF4	0	0.00368089	inf	1
MIR5583-2	0	0	0	1
KC6	0	0	0	1
RIT2	0	0	0	1
SYT4	0	0	0	1
MIR4319	0	0	0	1
LOXHD1	0	0	0	1
TCEB3CL2	0	0	0	1
TCEB3CL2	0	0	0	1
TCEB3C	0	0	0	1
TCEB3B	0	0	0	1
ZBTB7C	0	0.00679025	inf	1
MIR4744	0	0	0	1
SNORD58A	0	0	0	1
MIR4320	0	0	0	1
STARD6	0	0	0	1
CCDC68	0	0	0	1
LOC100505474	0	0	0	1
MIR3591	0	0	0	1
RAX	0	0	0	1
CPLX4	0	0	0	1
MC4R	0	0	0	1
SERPINB4	0	0	0	1
SERPINB3	0	0	0	1
LINC00305	0	0	0	1
LOC400654	0	0	0	1
CDH19	0	0	0	1
LOC100505776	0	0	0	1
CBLN2	0	0	0	1
NETO1	0	0	0	1
LOC400655	0	0	0	1
FAM69C	0	0	0	1
C18orf62	0	0	0	1
LOC100131655	0	0.0439348	inf	1
OR4F17	0	0	0	1
FGF22	0	0.058675	inf	1
PALM	0	0	0	1
MIR4745	0	0	0	1
MIR3187	0	0	0	1
KISS1R	0	0	0	1
GRIN3B	0	0.0230415	inf	1
PLK5	0	0	0	1
ONECUT3	0	0	0	1
GIPC3	0	0	0	1
NMRK2	0	0	0	1
MIR4746	0	0	0	1
MIR7-3	0	0	0	1
MIR4747	0	0	0	1
ZNRF4	0	0	0	1
CATSPERD	0	0.00820959	inf	1
MBD3L5	0	0	0	1
MBD3L2	0	0	0	1
RETN	0	0	0	1
CCL25	0	0.0182045	inf	1
OR2Z1	0	0	0	1
MBD3L1	0	0	0	1
OR1M1	0	0	0	1
OR7E24	0	0	0	1
RDH8	0	0.00757169	inf	1
C3P1	0	0	0	1
SNORD105	0	0	0	1
SNORD105B	0	0	0	1
MIR4322	0	0	0	1
MIR1238	0	58.8567	inf	1
MIR638	0	0	0	1
MIR4748	0	0	0	1
TSPAN16	0	0	0	1
BEST2	0	0.0682914	inf	1
MIR181C	0	0	0	1
OR7C2	0	0	0	1

CCDC105	0	0	0	1
CASP14	0	0	0	1
OR111	0	0	0	1
MIR1470	0	0	0	1
CYP4F22	0	0	0	1
CYP4F8	0	0	0	1
CYP4F12	0	0	0	1
OR10H2	0	0	0	1
OR10H3	0	0	0	1
OR10H5	0	0	0	1
OR10H4	0	0	0	1
LINC00661	0	0	0	1
FLJ25328	0	0	0	1
F2RL3	0	0.00551809	inf	1
B3GNT3	0	0.00883986	inf	1
SLC5A5	0	0.00925923	inf	1
MIR3188	0	0	0	1
MIR3189	0	0	0	1
NCAN	0	0	0	1
ZNF257	0	0	0	1
ZNF729	0	0	0	1
LOC440518	0	0	0	1
ZNF726	0	0	0	1
LOC148145	0	0	0	1
LOC100505835	0	0	0	1
VSTM2B	0	0.0153987	inf	1
ZNF536	0	0	0	1
DKFZp566F0947	0	0	0	1
THEG5	0	0	0	1
CHST8	0	0	0	1
SCGB2B3P	0	0	0	1
HPN	0	0	0	1
MAG	0	0	0	1
FFAR1	0	0	0	1
FFAR3	0	0	0	1
LOC100128682	0	0	0	1
FFAR2	0	0	0	1
KIRREL2	0	0	0	1
LOC100134317	0	0.0565316	inf	1
LOC644189	0	0.010315	inf	1
ZNF570	0	0	0	1
LOC644554	0	0.00913332	inf	1
LGALS7B	0	0	0	1
IFNL2	0	0	0	1
IFNL1	0	0	0	1
SELV	0	0	0	1
LGALS13	0	0	0	1
LGALS16	0	0	0	1
LGALS17A	0	0	0	1
LGALS14	0	0	0	1
LEUTX	0	0	0	1
CYP2G1P	0	0	0	1
CYP2B7P1	0	0.0133307	inf	1
CYP2B6	0	0.00320657	inf	1
CYP2A13	0	0	0	1
CYP2S1	0	0	0	1
C19orf69	0	0	0	1
CEACAM21	0	0.00749128	inf	1
CEACAM5	0	0.00261617	inf	1
CEACAM6	0	0	0	1
CEACAM3	0	0	0	1
DMRTC2	0	0	0	1
LOC100289650	0	0	0	1
PRG1	0	0	0	1
CD177	0	0	0	1
TEX101	0	0.0196742	inf	1
IGSF23	0	0.0109261	inf	1
CEACAM16	0	0	0	1
CBLC	0	0	0	1
APOC2,APOC4	0	0.0275597	inf	1
MIR642A	0	0	0	1
MIR769	0	0	0	1
DKFZp434J0226	0	0.00690084	inf	1
IGFL1	0	0	0	1
MIR3190	0	0	0	1
SNAR-A13	0	0	0	1
SNAR-C2	0	0	0	1
SNAR-A2	0	0	0	1
SNAR-A8	0	0	0	1

SNAR-C5	0	0	0	1
SNAR-A2	0	0	0	1
SNAR-C4	0	0	0	1
SNAR-A13	0	0	0	1
SNAR-C3	0	0	0	1
SNAR-C5	0	0	0	1
ELSPBP1	0	0	0	1
CGB2	0	0.0270406 inf	0	1
SNAR-G1	0	0	0	1
SNORD32A	0	38.6928 inf	0	1
SNORD34	0	0	0	1
SNORD35B	0	23.2404 inf	0	1
MIR5088	0	0	0	1
MIR4749	0	0	0	1
MIR4750	0	0	0	1
GPR32	0	0	0	1
KLK3	0	0	0	1
KLK2	0	0	0	1
SIGLEC7	0	0	0	1
SIGLEC17P	0	0	0	1
SIGLECL1	0	0	0	1
CEACAM18	0	0	0	1
MIR99B	0	0	0	1
MIRLET7E	0	0	0	1
MIR125A	0	0	0	1
FPR2	0	0	0	1
MIR643	0	0	0	1
ZNF534	0	0	0	1
ZNF818P	0	0	0	1
FAM90A27P	0	0	0	1
DPRX	0	0	0	1
MIR512-2	0	0	0	1
MIR512-2	0	0	0	1
MIR1323	0	0	0	1
MIR498	0	0	0	1
MIR520E	0	0	0	1
MIR515-2	0	0	0	1
MIR519E	0	0	0	1
MIR520F	0	0	0	1
MIR515-1	0	0	0	1
MIR519C	0	0	0	1
MIR1283-1	0	0	0	1
MIR520A	0	0	0	1
MIR526B	0	0	0	1
MIR519B	0	0	0	1
MIR525	0	0	0	1
MIR523	0	0	0	1
MIR518F	0	0	0	1
MIR520B	0	0	0	1
MIR518B	0	0	0	1
MIR526A1	0	0	0	1
MIR520C	0	0	0	1
MIR518C	0	0	0	1
MIR524	0	0	0	1
MIR517A	0	0	0	1
MIR519D	0	0	0	1
MIR521-2	0	0	0	1
MIR520D	0	0	0	1
MIR517B	0	0	0	1
MIR520G	0	0	0	1
MIR516B2	0	0	0	1
MIR526A2	0	0	0	1
MIR518E	0	0	0	1
MIR518A1	0	0	0	1
MIR518D	0	0	0	1
MIR516B1	0	0	0	1
MIR518A2	0	0	0	1
MIR517C	0	0	0	1
MIR520H	0	0	0	1
MIR521-1	0	0	0	1
MIR522	0	0	0	1
MIR519A1	0	0	0	1
MIR527	0	0	0	1
MIR516A1	0	0	0	1
MIR1283-2	0	0	0	1
MIR516A2	0	0	0	1
MIR519A2	0	0	0	1
MIR371A	0	0	0	1
MIR372	0	0	0	1

MIR373	0	0	0	1
MIR4752	0	0	0	1
TTYH1	0	0.0247862	inf	1
KIR3DX1	0	0	0	1
LILRA2	0	0	0	1
LILRA1	0	0	0	1
LILRB4	0	0	0	1
LILRP2	0	0	0	1
KIR3DL3	0	0	0	1
KIR2DL3	0	0	0	1
KIR2DL1	0	0	0	1
KIR2DL4,LOC100287534	0	0	0	1
KIR3DL1	0	0	0	1
KIR2DS4	0	0	0	1
KIR3DL2	0	0	0	1
NCR1	0	0	0	1
NLRP2	0	0	0	1
NLRP8	0	0.00462713	inf	1
NLRP5	0	0	0	1
GALP	0	0	0	1
LOC100128252	0	0	0	1
ZNF471	0	0.00196385	inf	1
ZFP28	0	0	0	1
ZNF470	0	0.000951756	inf	1
PEG3-AS1	0	0	0	1
MIMT1	0	0	0	1
ZNF530	0	0	0	1
ZNF134	0	0.00426493	inf	1
ZSCAN4	0	0	0	1
ZSCAN1	0	0	0	1
ZNF135	0	0	0	1
LOC646862	0	0	0	1
FAM138A	0	0	0	1
THEG	0	0	0	1
MIR1227	0	0	0	1
C19orf77	0	0.0284237	inf	1
ZFR2	0	0	0	1
SNORD37	0	0	0	1
ARRDC5	0	0	0	1
TUBB4A	0	0.00655547	inf	1
CD70	0	0	0	1
MBD3L4	0	0	0	1
MBD3L3	0	0	0	1
CLEC4G	0	0	0	1
CD209	0	0.0056776	inf	1
LOC388499	0	0.0109464	inf	1
MIR4999	0	0	0	1
ADAMTS10	0	0	0	1
ACTL9	0	0	0	1
OR7G2	0	0	0	1
OR7G1	0	0	0	1
OR7G3	0	0	0	1
OR7D4	0	0	0	1
ZNF560	0	0	0	1
ZNF812	0	0	0	1
COL5A3	0	0.00979266	inf	1
S1PR5	0	0	0	1
MIR199A1	0	0	0	1
SNORD41	0	0	0	1
KLF1	0	0.0247347	inf	1
MIR27A	0	0	0	1
MIR23A	0	0	0	1
EMR3	0	0	0	1
OR7C1	0	0	0	1
OR7A5	0	0	0	1
OR7A10	0	0	0	1
OR7A17	0	0	0	1
RASAL3	0	0	0	1
PGLYRP2	0	0.0285242	inf	1
CYP4F24P	0	0	0	1
OR10H1	0	0	0	1
LOC729966	0	0	0	1
COMP	0	0	0	1
MIR1270-2	0	0	0	1
ZNF826P	0	0	0	1
MIR1270-2	0	0	0	1
ZNF676	0	0	0	1
ZNF98	0	0	0	1
ZNF728	0	0	0	1

LOC284395	0	0	0	1
TSHZ3	0	0	0	1
LOC400685	0	0	0	1
LOC100652909	0	0	0	1
LOC100128675	0	0.00369474	inf	1
ATP4A	0	0	0	1
PRODH2	0	0	0	1
TYROBP	0	0	0	1
LOC100631378	0	0	0	1
PPP1R14A	0	0	0	1
LGALS7	0	0	0	1
SYCN	0	0	0	1
IFNL3	0	0	0	1
IFNL4	0	0	0	1
MIR4530	0	0	0	1
CLC	0	0	0	1
MIR641	0	0	0	1
CYP2A6	0	0	0	1
CYP2A7	0	0	0	1
LOC100505495	0	0	0	1
CEACAM4	0	0	0	1
CEACAM7	0	0	0	1
LYPD4	0	0	0	1
MIR4323	0	0	0	1
CXCL17	0	0	0	1
PSG8	0	0	0	1
PSG10P	0	0	0	1
PSG6	0	0	0	1
PSG7	0	0	0	1
PSG11	0	0	0	1
LOC284344	0	0	0	1
MIR4531	0	0	0	1
MIR330	0	0	0	1
MIR642B	0	0	0	1
RSPH6A	0	0	0	1
NANOS2	0	0	0	1
NOVA2	0	0	0	1
PGLYRP1	0	0	0	1
IGFL3	0	0.0256121	inf	1
RNU6-66	0	0	0	1
CCDC8	0	0	0	1
PNMAL2	0	0	0	1
GNG8	0	0	0	1
MIR320E	0	0	0	1
SNAR-E	0	0	0	1
MIR3191	0	0	0	1
ZNF541	0	0	0	1
TPRX1	0	0	0	1
SULT2A1	0	0	0	1
BSPH1	0	0	0	1
CABP5	0	0	0	1
TULP2	0	0	0	1
SNAR-G2	0	0	0	1
CGB1	0	0	0	1
MIR4324	0	0	0	1
MIR150	0	0	0	1
TSKS	0	0	0	1
SNAR-A8	0	0	0	1
SNAR-A4	0	0	0	1
SNAR-A10	0	0	0	1
SNAR-A7	0	0	0	1
SNAR-A14	0	0	0	1
SNAR-A3	0	0	0	1
SNAR-A6	0	0	0	1
SNAR-A10	0	0	0	1
SNAR-A8	0	0	0	1
SNAR-B1	0	0	0	1
SNAR-B2	0	0	0	1
SNAR-D	0	0	0	1
IZUMO2	0	0	0	1
NAPSB	0	0	0	1
SNORD88B	0	0	0	1
SNORD88A	0	0	0	1
SNORD88C	0	0	0	1
KLKP1	0	0	0	1
KLK5	0	0	0	1
KLK7	0	0	0	1
KLK9	0	0	0	1
KLK10	0	0	0	1

KLK11	0	0	0	1
KLK12	0	0	0	1
KLK13	0	0	0	1
NKG7	0	0	0	1
LIM2	0	0	0	1
SIGLEC8	0	0	0	1
SIGLEC12	0	0	0	1
SIGLEC6	0	0	0	1
FPR1	0	0	0	1
ZNF415	0	0	0	1
VN1R4	0	0.0154398	inf	1
BIRC8	0	0	0	1
MIR371B	0	0	0	1
TARM1	0	0	0	1
LILRB5	0	0.00596935	inf	1
LILRB2	0	0	0	1
LILRA3	0	0	0	1
LILRA4	0	0	0	1
NLRP7	0	0	0	1
RNU6-64	0	0	0	1
FAM71E2	0	0	0	1
SGK110	0	0	0	1
NLRP13	0	0	0	1
ZNF835	0	0.0159843	inf	1
PEG3,ZIM2	0	0	0	1
ZIM3	0	0	0	1
ZNF418	0	0.00215084	inf	1
ZNF256	0	0	0	1
ZNF606	0	0	0	1
MIR4754	0	0	0	1
TPO	0	0	0	1
LOC730811	0	0	0	1
SOX11	0	0	0	1
LOC150622	0	0	0	1
LOC400940	0	0	0	1
KCNF1	0	0	0	1
LINC00570	0	0	0	1
MIR3125	0	0	0	1
MYCN	0	0	0	1
VSNL1	0	0	0	1
MSGN1	0	0	0	1
KCNS3	0	0	0	1
MIR4757	0	0	0	1
FLJ12334	0	0	0	1
GDF7	0	0	0	1
C2orf70	0	0	0	1
DPYSL5	0	0	0	1
TCF23	0	0	0	1
DNAJC5G	0	0	0	1
MIR4263	0	0	0	1
PLB1	0	0	0	1
SNORD92	0	0	0	1
SNORD53	0	0	0	1
LBH	0	0	0	1
EHD3	0	0	0	1
MIR558	0	0	0	1
MIR4765	0	0	0	1
LINC00486	0	0	0	1
LOC100271832	0	0	0	1
VIT	0	0	0	1
CYP1B1-AS1	0	0.00637941	inf	1
SLC8A1-AS1	0	0	0	1
LOC388942	0	0	0	1
ABCG8	0	0	0	1
SIX3	0	0	0	1
TMEM247	0	0	0	1
MIR559	0	0	0	1
RPL23AP32	0	0.039572	inf	1
CCDC85A	0	0	0	1
FLJ30838	0	0	0	1
MIR5192	0	0	0	1
MIR4434	0	0	0	1
LOC339807	0	0	0	1
PROKR1	0	0	0	1
ARHGAP25	0	0	0	1
GKN1	0	0	0	1
ANTXR1	0	0	0	1
MIR3126	0	0	0	1
ATP6V1B1	0	0.0148379	inf	1

OR7E91P	0	0	0	1
EMX1	0	0	0	1
NOTO	0	0	0	1
DCTN1-AS1	0	0	0	1
MIR5000	0	0	0	1
REG3G	0	0	0	1
REG1A	0	0	0	1
LOC1720	0	0	0	1
FUNDC2P2	0	0	0	1
GNLY	0	0	0	1
LOC284950	0	0	0	1
RGPD1,RGPD2	0	0	0	1
MIR4435-1	0	0	0	1
SMYD1	0	0	0	1
THNSL2	0	0	0	1
TEX37	0	0	0	1
ANKRD36BP2	0	0.00425344	inf	1
MIR4436A	0	0	0	1
ACTR3BP2	0	0	0	1
MAL	0	0	0	1
TRIM43	0	0	0	1
MIR3127	0	0	0	1
VWA3B	0	0	0	1
CNGA3	0	0	0	1
NMS	0	0	0	1
MIR5696	0	0	0	1
IL1R2	0	0	0	1
IL1RL2	0	0	0	1
MIR4772	0	0	0	1
LOC150568	0	0	0	1
POU3F3	0	0	0	1
C2orf40	0	0.0194615	inf	1
PLGLA	0	0	0	1
SLC5A7	0	0	0	1
SULT1C3	0	0	0	1
SULT1C2P1	0	0	0	1
RGPD5,RGPD6	0	0	0	1
LOC100507334	0	0	0	1
MIR4436B2	0	0	0	1
ACOXL	0	0	0	1
IL36G	0	0	0	1
IL36A	0	0	0	1
IL36RN	0	0	0	1
IL1F10	0	0	0	1
IL1RN	0	0	0	1
FAM138B	0	0.0116224	inf	1
DPP10	0	0	0	1
MARCO	0	0	0	1
PCDP1	0	0	0	1
GLI2	0	0	0	1
CNTNAP5	0	0	0	1
GYPC	0	0	0	1
PROC	0	0.0110521	inf	1
GPR17	0	0	0	1
CCDC74B-AS1	0	0.00706828	inf	1
CFC1B	0	0	0	1
LOC646743,TISP43	0	0	0	1
CYP4F30P	0	0	0	1
GPR148	0	0	0	1
AMER3	0	0.00172227	inf	1
POTEE	0	0.00964232	inf	1
LOC440910	0	0	0	1
LOC389043	0	0	0	1
RNU6-81	0	0	0	1
MIR3679	0	0	0	1
ACMSD	0	0	0	1
MIR128-1	0	0	0	1
THSD7B	0	0	0	1
KYNU	0	0	0	1
ARHGAP15	0	0.00587604	inf	1
ZEB2-AS1	0	0	0	1
DKFZp686O1327	0	0	0	1
KIF5C	0	0	0	1
LYPD6B	0	0	0	1
TNFAIP6	0	0	0	1
MIR4773-1	0	0	0	1
GALNT13	0	0	0	1
GALNT5	0	0	0	1
UPP2	0	0	0	1

CCDC148-AS1	0	0	0	1
DAPL1	0	0	0	1
SLC4A10	0	0	0	1
CSRNP3	0	0	0	1
XIRP2	0	0	0	1
B3GALT1	0	0	0	1
MIR4774	0	0	0	1
G6PC2	0	0	0	1
MYO3B	0	0	0	1
LOC285084	0	0.00351222	inf	1
SP9	0	0	0	1
HOXD12	0	0	0	1
HOXD11	0	0	0	1
HOXD10	0	0	0	1
MIR10B	0	0	0	1
OSBPPL6	0	0	0	1
ITGA4	0	0.00123526	inf	1
PPP1R1C	0	0	0	1
ZNF804A	0	0	0	1
FSIP2	0	0	0	1
MIR561	0	0	0	1
COL3A1	0	0	0	1
MIR1245A	0	0	0	1
PCGEM1	0	0	0	1
PLCL1	0	0	0	1
CDK15	0	0	0	1
SNORD70	0	0	0	1
SNORD11B	0	0	0	1
SNORD11	0	0	0	1
CD28	0	0	0	1
CTLA4	0	0	0	1
ICOS	0	0	0	1
SNORD51	0	0	0	1
ADAM23	0	0	0	1
LOC200726	0	0	0	1
MIR3130-2	0	0	0	1
LOC100507443	0	0	0	1
PTH2R	0	0	0	1
CPS1-IT1	0	0	0	1
VWC2L	0	0	0	1
VWC2L-IT1	0	0	0	1
RUFY4	0	0	0	1
MIR26B	0	0	0	1
VIL1	0	0.00487159	inf	1
WNT6	0	0	0	1
CDK5R2	0	0	0	1
LINC00608	0	0	0	1
LOC100129175	0	0	0	1
CCDC140	0	0	0	1
MOGAT1	0	0	0	1
KCNE4	0	0	0	1
NYAP2	0	0	0	1
MIR548AR	0	0	0	1
LOC646736	0	0	0	1
CCL20	0	0	0	1
LOC151484	0	0	0	1
SPATA3	0	0	0	1
MIR4777	0	0	0	1
C2orf57	0	0	0	1
ALPP	0	0	0	1
ALPPL2	0	0.0059646	inf	1
ALPI	0	0	0	1
NEU2	0	0	0	1
UGT1A1,UGT1A10,UGT1A3	0	0	0	1
TRPM8	0	0	0	1
SPP2	0	0	0	1
CXCR7	0	0	0	1
MLPH	0	0	0	1
PRLH	0	0	0	1
TWIST2	0	0	0	1
MIR4269	0	0	0	1
LOC150935	0	0	0	1
MIR149	0	0	0	1
AQP12A	0	0	0	1
AGXT	0	0	0	1
GAL3ST2	0	0.0230255	inf	1
CXXC11	0	0	0	1
LOC339822	0	0	0	1
MYT1L	0	0	0	1

LOC100505964	0	0	0	1
LOC727982	0	0	0	1
LINC00487	0	0	0	1
LOC339788	0	0	0	1
LINC00299	0	0	0	1
CYS1	0	0	0	1
MIR4261	0	0	0	1
FLJ33534	0	0	0	1
MIR4429	0	0	0	1
NTSR2	0	0	0	1
MIR4262	0	0	0	1
LOC100506474	0	0	0	1
MYCNOS	0	0	0	1
RAD51AP2	0	0	0	1
APOB	0	0	0	1
POMC	0	0	0	1
MIR1301	0	0	0	1
CIB4	0	0.0159928	inf	1
C2orf53	0	0	0	1
SLC30A3	0	0	0	1
C2orf71	0	0	0	1
ALK	0	0	0	1
CAPN13	0	0	0	1
GALNT14	0	0	0	1
CAPN14	0	0	0	1
XDH	0	0.00193389	inf	1
SRD5A2	0	0	0	1
SULT6B1	0	0	0	1
CYP1B1	0	0	0	1
CDKL4	0	0.0122232	inf	1
SLC8A1	0	0	0	1
C2orf91	0	0	0	1
KCNG3	0	0	0	1
HAAO	0	0	0	1
LOC728819	0	0	0	1
MIR548AD	0	0	0	1
SIX2	0	0	0	1
KCNK12	0	0.0377826	inf	1
LHCGR	0	0	0	1
FSHR	0	0	0	1
NRXN1	0	0	0	1
MIR3682	0	0	0	1
TSPYL6	0	0	0	1
EFEMP1	0	0	0	1
MIR217	0	0	0	1
MIR216A	0	0	0	1
MIR216B	0	0	0	1
MIR4432	0	0	0	1
SNORA70B	0	0	0	1
LINC00309	0	0	0	1
LOC400958	0	0	0	1
MIR4778	0	0	0	1
MEIS1-AS3	0	0	0	1
LOC644838	0	0	0	1
CNRIP1	0	0	0	1
BMP10	0	0	0	1
GKN2	0	0	0	1
FIGLA	0	0	0	1
CLEC4F	0	0	0	1
CD207	0	0.00478663	inf	1
EGR4	0	0	0	1
NAT8	0	0	0	1
NAT8B	0	0.0174635	inf	1
EVA1A	0	0	0	1
LRRTM4	0	0	0	1
SNAR-H	0	0	0	1
REG1B	0	0	0	1
REG1P	0	0	0	1
REG3A	0	0	0	1
MIR4264	0	0	0	1
LRRTM1	0	0	0	1
MIR4779	0	0	0	1
CD8B	0	0	0	1
RGPD1,RGPD2	0	0.00360785	inf	1
MIR4780	0	0	0	1
FABP1	0	0	0	1
ANKRD20A8P,LOC90499	0	0.00621461	inf	1
TRIM43B	0	0	0	1
FAM178B	0	0.0175268	inf	1

CHST10	0	0	0	1
CREG2	0	0	0	1
RFX8	0	0.00641003	inf	1
LOC100287010	0	0	0	1
LOC284998	0	0	0	1
LOC100506421	0	0	0	1
LOC285000	0	0	0	1
LOC729121	0	0.0193182	inf	1
MIR4265	0	0	0	1
MIR4266	0	0	0	1
MIR4267	0	0	0	1
MIR4436B1	0	0	0	1
LIMS3	0	0	0	1
RGPD5,RGPD6	0	0	0	1
MIR4435-1	0	0	0	1
IL1B	0	0	0	1
IL36B	0	0	0	1
MIR4782	0	0	0	1
LOC389023	0	0	0	1
LOC84931	0	0	0	1
CYP27C1	0	0	0	1
MIR4783	0	0	0	1
LOC389033	0	0	0	1
LOC100131320	0	0	0	1
POTEF	0	0	0	1
TUBA3E	0	0.0161669	inf	1
LOC646743,TISP43	0	0	0	1
CFC1,CFC1B	0	0	0	1
MIR4784	0	0	0	1
C2orf27B	0	0	0	1
MIR663B	0	0	0	1
NCKAP5	0	0	0	1
MAP3K19	0	0	0	1
CXCR4	0	0	0	1
NXP2	0	0	0	1
LRP1B	0	0	0	1
ZEB2	0	0	0	1
RPRM	0	0	0	1
ERMN	0	0	0	1
CYTIP	0	0	0	1
PLA2R1	0	0	0	1
ITGB6	0	0	0	1
MIR4785	0	0	0	1
DPP4	0	0	0	1
GCG	0	0	0	1
FAP	0	0.00533525	inf	1
KCNH7	0	0	0	1
GRB14	0	0	0	1
SNORA70F	0	0	0	1
SLC38A11	0	0	0	1
SCN1A	0	0	0	1
SCN9A	0	0	0	1
SCN7A	0	0.00105363	inf	1
ABCB11	0	0	0	1
RAPGEF4-AS1	0	0.00182173	inf	1
WIPF1	0	0	0	1
CHRNA1	0	0.00488336	inf	1
MIR933	0	0	0	1
EVX2	0	0	0	1
MIR1246	0	0	0	1
MIR3128	0	0	0	1
ZNF385B	0	0	0	1
MIR1258	0	0	0	1
MIR4437	0	0	0	1
PDE1A	0	0.0161913	inf	1
ZSWIM2	0	0	0	1
DIRC1	0	0	0	1
MIR1245B	0	0	0	1
MIR3129	0	0	0	1
SLC40A1	0	0	0	1
SDPR	0	0	0	1
TMEFF2	0	0	0	1
HECW2	0	0	0	1
BOLL	0	0	0	1
CFLAR-AS1	0	0	0	1
DYTN	0	0	0	1
MIR2355	0	0	0	1
CRYGD	0	0	0	1
CRYGC	0	0	0	1

CRYGB	0	0	0	1
CRYGA	0	0	0	1
C2orf80	0	0	0	1
ACADL	0	0	0	1
MYL1	0	0	0	1
ERBB4	0	0	0	1
MIR548F2	0	0	0	1
MIR4776-2	0	0	0	1
LOC100130451	0	0.0166683	inf	1
MARCH4	0	0	0	1
IGFBP5	0	0	0	1
TNP1	0	0	0	1
DIRC3	0	0	0	1
CXCR2P1	0	0	0	1
CXCR1	0	0	0	1
PRKAG3	0	0	0	1
CRYBA2	0	0	0	1
MIR375	0	0	0	1
MIR3131	0	0	0	1
MIR153-1	0	0	0	1
RESP18	0	0	0	1
MIR3132	0	0	0	1
MIR4268	0	0	0	1
PAX3	0	0	0	1
SCG2	0	0	0	1
FAM124B	0	0	0	1
DOCK10	0	0	0	1
MIR4439	0	0	0	1
MIR5702	0	0	0	1
C2orf83	0	0	0	1
SPHKAP	0	0	0	1
PID1	0	0	0	1
DNER	0	0	0	1
GPR55	0	0	0	1
SNORD20	0	0	0	1
SNORD82	0	145.661	inf	1
NMUR1	0	0	0	1
MIR1471	0	0	0	1
NPPC	0	0	0	1
ECEL1P2	0	0	0	1
ECEL1	0	0	0	1
DNAJB3	0	0	0	1
LOC100286922	0	0	0	1
GBX2	0	0	0	1
ASB18	0	0	0	1
IQCA1	0	0	0	1
LOC151174	0	0	0	1
FLJ43879	0	0	0	1
MIR4440	0	0	0	1
MIR4441	0	0	0	1
MIR2467	0	0	0	1
MIR4786	0	0	0	1
OR6B2	0	0	0	1
PRR21	0	0	0	1
OR6B3	0	0	0	1
AQP12B	0	0	0	1
LOC200772	0	0.007811	inf	1
DEFB125	0	0	0	1
DEFB126	0	0	0	1
DEFB127	0	0	0	1
DEFB129	0	0	0	1
DEFB132	0	0	0	1
TGM6	0	0	0	1
SNORA51	0	1.68625	inf	1
SNORD56	0	0	0	1
C2orf141	0	0	0	1
TMEM239	0	0	0	1
OXT	0	0.0907824	inf	1
MIR103A2	0	0	0	1
PRND	0	0	0	1
CHGB	0	0.00314729	inf	1
PLCB1	0	0	0	1
LAMP5	0	0.00558474	inf	1
ANKEF1	0	0	0	1
SNAP25	0	0	0	1
OTOR	0	0	0	1
LINC00851	0	0	0	1
MIR3192	0	0	0	1
SCP2D1	0	0	0	1

SLC24A3	0	0.00644319	inf	0	1
LOC100270679	0	0		0	1
SSTR4	0	0		0	1
CSTL1	0	0		0	1
CST8	0	0		0	1
CST13P	0	0		0	1
FLJ33581	0	0		0	1
SYNDIG1	0	0		0	1
CST7	0	0		0	1
DEFB115	0	0		0	1
DEFB118	0	0		0	1
DEFB123	0	0		0	1
REM1	0	0		0	1
LINC00028	0	0		0	1
MIR3193	0	0		0	1
COX4I2	0	0		0	1
TTLL9	0	0		0	1
XKR7	0	0		0	1
HCK	0	0		0	1
LOC149950	0	0		0	1
BPIFB2	0	0		0	1
BPIFB6	0	0		0	1
BPIFB3	0	0		0	1
BPIFB4	0	0		0	1
BPIFA2	0	0		0	1
BPIFA4P	0	0		0	1
BPIFA3	0	0		0	1
BPIFA1	0	0		0	1
BPIFB1	0	0		0	1
MIR4755	0	0		0	1
MIR644A	0	0		0	1
MIR499A	0	0		0	1
LOC100287792	0	0.010299	inf	0	1
BPI	0	0		0	1
LBP	0	0		0	1
SNORA60	0	0		0	1
ADIG	0	0.0185311	inf	0	1
SLC32A1	0	0		0	1
PPP1R16B	0	0.00417533	inf	0	1
R3HDML	0	0		0	1
HNF4A	0	0		0	1
MIR3646	0	0		0	1
SEMG1	0	0		0	1
SEMG2	0	0		0	1
RBPJL	0	0		0	1
WFDC2	0	0.0668124	inf	0	1
SPINT4	0	0		0	1
MMP9	0	0		0	1
EYA2	0	0		0	1
MIR3616	0	0		0	1
LINC00494	0	0		0	1
SNORD12C	0	0		0	1
SNORD12B	0	0		0	1
SNORD12	0	0		0	1
MIR645	0	0		0	1
DOK5	0	0		0	1
MC3R	0	0		0	1
SPO11	0	0		0	1
MIR5095	0	0		0	1
PCK1	0	0		0	1
MIR4532	0	0		0	1
C20orf85	0	0		0	1
ZNF831	0	0		0	1
EDN3	0	0		0	1
PHACTR3	0	0		0	1
CDH26	0	0		0	1
C20orf197	0	0		0	1
LOC284757	0	0		0	1
MIR4533	0	0		0	1
C20orf166	0	0		0	1
MIR1-1	0	0		0	1
LOC63930	0	0		0	1
HAR1A	0	0		0	1
MIR124-3	0	0		0	1
BIRC7	0	0		0	1
MIR3196	0	0		0	1
FLJ16779	0	0		0	1
MIR4326	0	0		0	1
MIR941-1,MIR941-3,MIR941	0	0		0	1

MIR941-2,MIR941-3,MIR941	0	0	0	1
DEFB128	0	0	0	1
TCF15	0	0.0130412	inf	1
SCRT2	0	0	0	1
RSPO4	0	0.0117729	inf	1
SIRPB2	0	0	0	1
SIRPD	0	0	0	1
SIRPB1	0	0	0	1
SIRPG	0	0	0	1
LOC100289473	0	0	0	1
PDYN	0	0	0	1
SNORD119	0	0	0	1
AVP	0	0	0	1
C20orf194	0	0	0	1
GFRA4	0	0.0317476	inf	1
ADAM33	0	0	0	1
MIR103B2	0	0	0	1
ADRA1D	0	0.0104483	inf	1
PRNT	0	0	0	1
PROKR2	0	0	0	1
LINC00658	0	0.0173732	inf	1
HAO1	0	0	0	1
PAK7	0	0	0	1
SNAP25-AS1	0	0	0	1
LOC339593	0	0	0	1
ISM1-AS1	0	0	0	1
SEL1L2	0	0	0	1
MACROD2-AS1	0	0	0	1
C20orf78	0	0	0	1
LOC100130264	0	0	0	1
NKX2-4	0	0	0	1
NKX2-2	0	0	0	1
LOC284788	0	0	0	1
FOXA2	0	0	0	1
THBD	0	0	0	1
CD93	0	0	0	1
LINC00656	0	0	0	1
CST11	0	0	0	1
CST9L	0	0	0	1
CST9	0	0	0	1
CST4	0	0	0	1
CST1	0	0	0	1
CST2	0	0	0	1
CST5	0	0	0	1
VSX1	0	0	0	1
LOC284798	0	0	0	1
NCOR1P1	0	0	0	1
DEFB116	0	0	0	1
DEFB119	0	0	0	1
DEFB121	0	0	0	1
DEFB122	0	0	0	1
DEFB124	0	0	0	1
FOXS1	0	0	0	1
SUN5	0	0	0	1
HMGB3P1	0	0.0103955	inf	1
MIR499B	0	0	0	1
C20orf173	0	0	0	1
GHRH	0	0	0	1
LINC00489	0	0	0	1
LOC339568	0	0	0	1
PTPRT	0	0	0	1
GTSF1L	0	0	0	1
KCNS1	0	0	0	1
WFDC12	0	0	0	1
SLPI	0	0	0	1
SPINT3	0	0	0	1
EPPIN,EPPIN-WFDC6,WFD	0	0	0	1
WFDC8	0	0.00733828	inf	1
WFDC9	0	0	0	1
WFDC11	0	0	0	1
CDH22	0	0	0	1
ZNF663	0	0	0	1
MKRN7P	0	0	0	1
ZNF334	0	0	0	1
OCSTAMP	0	0	0	1
KCNB1	0	0.00352401	inf	1
PTGIS	0	0	0	1
LINC00651	0	0.0327507	inf	1
KCNG1	0	0	0	1

MIR3194	0	0	0	1
SALL4	0	0.00812911 inf		1
SUMO1P1	0	0	0	1
MIR4756	0	0	0	1
CYP24A1	0	0	0	1
CBLN4	0	0	0	1
BMP7	0	0.0033662 inf		1
MIR4325	0	0	0	1
ZBP1	0	0.00577804 inf		1
APCDD1L	0	0.00565251 inf		1
MIR296	0	0	0	1
MIR298	0	0	0	1
LOC100506384	0	0	0	1
MIR1257	0	0	0	1
RBBP8NL	0	0	0	1
GATA5	0	0	0	1
C20orf166-AS1	0	0	0	1
BHLHE23	0	0	0	1
HAR1B	0	0	0	1
CHRNA4	0	0	0	1
KCNQ2	0	0	0	1
MIR1914	0	0	0	1
MIR647	0	0	0	1
SOX18	0	0	0	1
C20orf201	0	0	0	1
NPBWR2	0	0	0	1
MIR3648	0	0	0	1
MIR3687	0	0	0	1
POTED	0	0	0	1
RBM11	0	0	0	1
SAMSN1-AS1	0	0	0	1
LINC00478	0	0.00278513 inf		1
MIR99A	0	0	0	1
MIRLET7C	0	0	0	1
MIR125B2	0	0	0	1
C21orf37	0	0	0	1
NCAM2	0	0	0	1
RNU6-67	0	0	0	1
LINC00308	0	0	0	1
LOC339622	0	0	0	1
MIR4759	0	0	0	1
LINC00113	0	0	0	1
LINC00314	0	0	0	1
GRIK1-AS1	0	0	0	1
KRTAP13-1	0	0	0	1
KRTAP13-4	0	0	0	1
KRTAP15-1	0	0	0	1
KRTAP6-3	0	0	0	1
KRTAP22-1	0	0	0	1
KRTAP20-1	0	0	0	1
KRTAP20-4	0	0	0	1
KRTAP20-2	0	0	0	1
KRTAP20-3	0	0	0	1
OLIG2	0	0	0	1
OLIG1	0	0	0	1
CLIC6	0	0	0	1
MIR802	0	0	0	1
DSCR8	0	0	0	1
DSCR10	0	0	0	1
BRWD1-AS1	0	0	0	1
B3GALT5	0	0	0	1
IGSF5	0	0	0	1
PCP4	0	0.0177152 inf		1
DSCAM-AS1	0	0	0	1
MIR3197	0	0	0	1
LINC00111	0	0	0	1
LINC00112	0	0	0	1
ABCG1	0	0	0	1
UBASH3A	0	0	0	1
PDE9A	0	0	0	1
CRYAA	0	0	0	1
AIRE	0	0	0	1
TRPM2	0	0.00225467 inf		1
KRTAP10-4	0	0	0	1
KRTAP10-7	0	0	0	1
KRTAP10-8	0	0	0	1
KRTAP10-9	0	0	0	1
KRTAP10-10	0	0	0	1
KRTAP10-11	0	0	0	1

KRTAP12-3	0	0	0	1
KRTAP10-12	0	0	0	1
COL6A2	0	0.00514393	inf	1
TPTE	0	0.00951587	inf	1
BAGE,BAGE3,BAGE4,BAGE	0	0	0	1
MIR3156-3	0	0	0	1
ANKRD20A11P	0	0.0134847	inf	1
LIP1	0	0	0	1
SAMSN1	0	0	0	1
LOC388813	0	0	0	1
CHODL-AS1	0	0	0	1
TMPRSS15	0	0	0	1
LINC00320	0	0	0	1
LINC00317	0	0	0	1
D21S2088E	0	0	0	1
ADAMTS1	0	0	0	1
ADAMTS5	0	0	0	1
MIR5009	0	0	0	1
CLDN17	0	0	0	1
LINC00307	0	0	0	1
CLDN8	0	0	0	1
KRTAP24-1	0	0	0	1
KRTAP25-1	0	0	0	1
KRTAP26-1	0	0	0	1
KRTAP27-1	0	0	0	1
KRTAP23-1	0	0	0	1
KRTAP13-2	0	0	0	1
MIR4327	0	0	0	1
KRTAP13-3	0	0	0	1
KRTAP19-1	0	0	0	1
KRTAP19-2	0	0	0	1
KRTAP19-3	0	0	0	1
KRTAP19-4	0	0	0	1
KRTAP19-5	0	0	0	1
KRTAP19-6	0	0	0	1
KRTAP19-7	0	0	0	1
KRTAP22-2	0	0	0	1
KRTAP6-2	0	0	0	1
KRTAP6-1	0	0	0	1
KRTAP21-3	0	0	0	1
KRTAP21-2	0	0	0	1
KRTAP21-1	0	0	0	1
KRTAP8-1	0	0	0	1
KRTAP7-1	0	0	0	1
KRTAP11-1	0	0	0	1
KRTAP19-8	0	0	0	1
LINC00159	0	0	0	1
C21orf54	0	0	0	1
LINC00160	0	0	0	1
LOC100506403	0	0	0	1
KCNJ6	0	0	0	1
DSCR4	0	0	0	1
ERG	0	0	0	1
LINC00114	0	0	0	1
C21orf88	0	0	0	1
DSCAM	0	0	0	1
MIR4760	0	0	0	1
DSCAM-IT1	0	0	0	1
LINC00323	0	0.00632746	inf	1
TMPRSS2	0	0.0035485	inf	1
LINC00479	0	0	0	1
C21orf128	0	0	0	1
TFF3	0	0	0	1
TFF2	0	0	0	1
TFF1	0	0.0733442	inf	1
TMPRSS3	0	0	0	1
DNMT3L	0	0	0	1
KRTAP10-1	0	0	0	1
KRTAP10-2	0	0	0	1
KRTAP10-3	0	0	0	1
KRTAP10-5	0	0	0	1
KRTAP10-6	0	0	0	1
KRTAP12-4	0	0	0	1
KRTAP12-2	0	0	0	1
KRTAP12-1	0	0	0	1
LOC100129027	0	0	0	1
S100B	0	0	0	1
TPTEP1	0	0	0	1
HSFY1P1	0	0	0	1

FLJ41941	0	0	0	1
MIR185	0	0	0	1
POM121L4P	0	0	0	1
SERPIND1	0	0.00458669	inf	1
LOC400891	0	0	0	1
MIR301B	0	116.753	inf	1
MIR130B	0	0	0	1
VPREB1	0	0	0	1
MIR650	0	0	0	1
IGLL5	0	0.0189661	inf	1
C22orf15	0	0	0	1
UPB1	0	0.0111745	inf	1
TOP1P2	0	0	0	1
IGLL3P	0	0	0	1
SEZ6L	0	0	0	1
CRYBA4	0	0	0	1
MIR3199-2	0	0	0	1
NEFH	0	0.0159822	inf	1
MIR3200	0	0	0	1
AP1B1P1	0	0	0	1
TIMP3	0	0.0018976	inf	1
ISX	0	0	0	1
MIR3909	0	0	0	1
APOL5	0	0	0	1
CSF2RB	0	0	0	1
LOC100506241	0	0	0	1
MIR4534	0	0	0	1
SYNGR1	0	0	0	1
MGAT3	0	0	0	1
MIR1281	0	0	0	1
MIR33A	0	0	0	1
MPPED1	0	0	0	1
EFCAB6-AS1	0	0	0	1
LINC00207	0	0	0	1
UPK3A	0	0	0	1
MIR4762	0	0	0	1
MIR3619	0	0	0	1
MIR3201	0	0	0	1
MIR4535	0	0	0	1
LOC100128946	0	0	0	1
PANX2	0	0	0	1
MIOX	0	0	0	1
POTEH	0	0	0	1
OR11H1	0	0	0	1
ANKRD62P1-PARP4P3	0	0	0	1
GAB4	0	0	0	1
CECR1	0	0	0	1
CECR3	0	0	0	1
MIR3198-1	0	0	0	1
MIR648	0	0	0	1
GSC2	0	0	0	1
CLDN5	0	0.0460753	inf	1
LOC150185	0	0	0	1
LOC388849	0	0.0235956	inf	1
LOC284865	0	0	0	1
MIR1286	0	0	0	1
SLC7A4	0	0	0	1
P2RX6P	0	0	0	1
ZNF280B	0	0	0	1
CES5AP1	0	0	0	1
IGLL1	0	0	0	1
GSTTP1	0	0	0	1
GSTTP2	0	0	0	1
GGT5	0	0	0	1
LOC100128531	0	0.013037	inf	1
MIR548J	0	0	0	1
CRYBB1	0	0	0	1
MIR3199-1	0	0	0	1
C22orf31	0	0.0090647	inf	1
MIR3653	0	0	0	1
SDC4P	0	0.0282076	inf	1
SEC14L6	0	0	0	1
MIR3928	0	0	0	1
C22orf42	0	0	0	1
BPIFC	0	0	0	1
SYN3	0	0.00508373	inf	1
MIR4764	0	0	0	1
MB	0	0	0	1
APOL3	0	0	0	1

CACNG2	0	0	0	1
PVALB	0	0	0	1
TEX33	0	0	0	1
IL2RB	0	0	0	1
SSTR3	0	0	0	1
ELFN2	0	0	0	1
LGALS2	0	0	0	1
MIR659	0	0	0	1
SOX10	0	0.0200414	inf	1
RNU86	0	0	0	1
SNORD43	0	0	0	1
ENTHD1	0	0	0	1
MIR4766	0	0	0	1
ATP5L2	0	0	0	1
A4GALT	0	0	0	1
SULT4A1	0	0	0	1
PNPLA5	0	0	0	1
LINC00229	0	0	0	1
PHF21B	0	0	0	1
MIR1249	0	0	0	1
FLJ46257	0	0	0	1
LOC284933	0	0	0	1
CHL1	0	0	0	1
CNTN6	0	0	0	1
LRRN1	0	0	0	1
GRM7	0	0	0	1
CAV3	0	0.00896216	inf	1
SLC6A11	0	0	0	1
SYN2	0	0.00315288	inf	1
PPARG	0	0	0	1
FGD5P1	0	0	0	1
MIR563	0	0	0	1
LOC339862	0	0	0	1
VENTXP7	0	0	0	1
UBE2E2	0	0.00567005	inf	1
MIR548AC	0	0	0	1
THR-B-AS1	0	0	0	1
LRRC3B	0	0	0	1
LINC00693	0	0	0	1
RBMS3	0	0	0	1
OSBPL10-AS1	0	0	0	1
TRIM71	0	0	0	1
CCR4	0	0	0	1
ARPP21	0	0	0	1
MIR128-2	0	0	0	1
STAC	0	0	0	1
MLH1	0	0.00820677	inf	1
MIR26A1	0	0	0	1
SLC22A13	0	0.0187203	inf	1
CCR8	0	0	0	1
MOBP	0	0	0	1
ENTPD3	0	0.00341859	inf	1
KLHL40	0	0	0	1
CCDC13-AS1	0	0	0	1
ZNF662	0	0	0	1
KRBOX1	0	0	0	1
MIR138-1	0	0	0	1
TOPAZ1	0	0	0	1
CCR3	0	0	0	1
CCR2	0	0	0	1
CCR5	0	0	0	1
RTP3	0	0	0	1
LRRC2-AS1	0	0	0	1
LOC100132146	0	0	0	1
MIR1226	0	0	0	1
MIR4443	0	0	0	1
CAMP	0	0	0	1
MIR4271	0	0	0	1
SLC38A3	0	0	0	1
MIR4787	0	0	0	1
IQCF4	0	0	0	1
IQCF3	0	0	0	1
IQCF2	0	0	0	1
SNORD19	0	0	0	1
SNORD19B	0	0	0	1
SNORD69	0	0	0	1
ITIH1	0	0	0	1
CACNA2D3	0	0	0	1
ARHGEF3-AS1	0	0	0	1

LINC00698	0	0	0	1
SYNPR	0	0	0	1
SNTN	0	0	0	1
PRICKLE2-AS1	0	0	0	1
PRICKLE2-AS2	0	0	0	1
ADAMTS9-AS2	0	0	0	1
MIR548A2	0	0	0	1
MAGI1-AS1	0	0.020411	inf	1
MIR4272	0	0	0	1
GPR27	0	0	0	1
LOC201617	0	0	0	1
MIR4444-1	0	0	0	1
MIR1324	0	0	0	1
MIR4273	0	0	0	1
ROBO2	0	0	0	1
CADM2	0	0	0	1
MIR5688	0	0	0	1
HTR1F	0	0	0	1
LOC255025	0	0	0	1
EPHA6	0	0	0	1
OR5AC2	0	0	0	1
OR5H1	0	0	0	1
OR5H14	0	0	0	1
OR5H15	0	0	0	1
OR5H6	0	0	0	1
OR5H2	0	0	0	1
OR5K4	0	0	0	1
OR5K3	0	0	0	1
OR5K1	0	0	0	1
GPR15	0	0	0	1
ST3GAL6	0	0.00231535	inf	1
COL8A1	0	0	0	1
GPR128	0	0	0	1
TRAT1	0	0	0	1
FLJ22763	0	0	0	1
LINC00488	0	0	0	1
FLJ25363	0	0.00843235	inf	1
MIR567	0	0	0	1
WDR52-AS1	0	0	0	1
SIDT1	0	0	0	1
MIR4446	0	0	0	1
TIGIT	0	0	0	1
ZBTB20-AS1	0	0	0	1
GAP43	0	0	0	1
LSAMP-AS3	0	0	0	1
IGSF11-AS1	0	0	0	1
C3orf30	0	0	0	1
PLA1A	0	0	0	1
MAATS1	0	0	0	1
NR1I2	0	0	0	1
FBXO40	0	0	0	1
CD86	0	0	0	1
CASR	0	0	0	1
PARP15	0	0.00379941	inf	1
MIR5002	0	0	0	1
ROPN1B	0	0.0273701	inf	1
ALDH1L1-AS1	0	0	0	1
ALDH1L1-AS2	0	0	0	1
NUP210P1	0	0	0	1
DNAJB8-AS1	0	0	0	1
LOC90246	0	0	0	1
EFCC1	0	0	0	1
GP9	0	0	0	1
RHO	0	0	0	1
H1FOO	0	0	0	1
TRH	0	0	0	1
COL6A4P2	0	0.0028994	inf	1
COL6A5	0	0	0	1
ACPP	0	0	0	1
NPHP3-AS1	0	0	0	1
TMEM108	0	0	0	1
BFSP2	0	0	0	1
MIR4788	0	0	0	1
SOX14	0	0	0	1
BPESC1	0	0	0	1
CLSTN2	0	0	0	1
TRIM42	0	0.00551187	inf	1
SPSB4	0	0	0	1
LOC100507389	0	0	0	1

CHST2	0	0	0	1
SLC9A9-AS1	0	0	0	1
ZIC1	0	0	0	1
AGTR1	0	0	0	1
CPB1	0	0	0	1
CPA3	0	0	0	1
HLTF-AS1	0	0	0	1
TM4SF4	0	0	0	1
CLRN1-AS1	0	0	0	1
MED12L	0	0	0	1
MIR548H2	0	0	0	1
AADAACL2	0	0	0	1
AADAC	0	0	0	1
SUCNR1	0	0	0	1
C3orf79	0	0	0	1
MME	0	0	0	1
LOC100498859	0	0	0	1
PTX3	0	0.00631701 inf	0	1
MIR3919	0	0	0	1
C3orf80	0	0	0	1
MIR15B	0	0	0	1
MIR16-2	0	0	0	1
ARL14	0	0	0	1
OTOL1	0	0	0	1
LOC646168	0	0	0	1
MIR551B	0	0	0	1
SAMD7	0	0	0	1
NLGN1	0	0	0	1
NAALADL2	0	0	0	1
MIR4789	0	0	0	1
ABCC5-AS1	0	0	0	1
HTR3D	0	0	0	1
HTR3C	0	0	0	1
HTR3E	0	0	0	1
MIR1224	0	0	0	1
SNORD66	0	0	0	1
EPHB3	0	0	0	1
EHHADH-AS1	0	0	0	1
LOC344887	0	0	0	1
HRG	0	0	0	1
KNG1	0	0	0	1
SNORD2	0	0	0	1
ADIPOQ	0	0	0	1
RTP1	0	0	0	1
RTP4	0	0	0	1
LOC100131635	0	0	0	1
TP63	0	0	0	1
MIR944	0	0	0	1
SNAR-I	0	0	0	1
OSTN	0	0	0	1
PYDC2	0	0	0	1
LOC100507391	0	0.00234907 inf	0	1
MIR570	0	0	0	1
LOC401109	0	0	0	1
FAM157A	0	0	0	1
CNTN4-AS2	0	0	0	1
IL5RA	0	0.00150816 inf	0	1
MIR4790	0	0	0	1
FANCD2OS	0	0.0457218 inf	0	1
MIR885	0	0	0	1
LINC00606	0	0	0	1
SLC6A1-AS1	0	0	0	1
TIMP4	0	0	0	1
WNT7A	0	0.0109476 inf	0	1
MIR4270	0	0	0	1
DAZL	0	0	0	1
MIR4791	0	0	0	1
ZNF385D	0	0	0	1
LINC00691	0	0	0	1
THRB	0	0	0	1
MIR4792	0	0	0	1
LINC00692	0	0	0	1
EOMES	0	0	0	1
GADL1	0	0	0	1
DCLK3	0	0	0	1
SCN5A	0	0.0126997 inf	0	1
SCN10A	0	0	0	1
CCK	0	0	0	1
LYZL4	0	0	0	1

HHATL	0	0	0	1
CYP8B1	0	0	0	1
CCR1	0	0	0	1
LTF	0	0	0	1
PRSS50	0	0	0	1
PRSS46	0	0	0	1
PRSS45	0	0	0	1
PRSS42	0	0	0	1
MYL3	0	0	0	1
SPINK8	0	0	0	1
MIR425	0	0	0	1
MIR191	0	0	0	1
LOC646498	0	0	0	1
BSN-AS2	0	0.00440486	inf	1
CDHR4	0	0	0	1
CAMKV	0	0	0	1
IQCF6	0	0	0	1
MIRLET7G	0	0	0	1
MIR135A1	0	0	0	1
CACNA2D3-AS1	0	0	0	1
LRTM1	0	0	0	1
WNT5A	0	0.00187198	inf	1
ERC2	0	0	0	1
ERC2-IT1	0	0	0	1
MIR3938	0	0	0	1
FAM3D	0	0.0118745	inf	1
C3orf67	0	0	0	1
FEZF2	0	0	0	1
CADPS	0	0	0	1
SYNPR-AS1	0	0	0	1
LOC100287879	0	0	0	1
PRICKLE2	0	0	0	1
FAM19A4	0	0	0	1
MIR3136	0	0	0	1
MIR1284	0	0	0	1
PROK2	0	0	0	1
CNTN3	0	0	0	1
CADM2-AS2	0	0	0	1
RNU6-69	0	0	0	1
VGLL3	0	0.000777701	inf	1
MIR4795	0	0	0	1
POU1F1	0	0	0	1
GABRR3	0	0	0	1
ST3GAL6-AS1	0	0	0	1
MIR548G	0	0	0	1
MIR3921	0	0	0	1
MIR548A3	0	0	0	1
LINC00635	0	0	0	1
RETNLB	0	0	0	1
GUCA1C	0	0	0	1
MORC1	0	0	0	1
DPPA2	0	0	0	1
DPPA4	0	0.00319983	inf	1
ZBED2	0	0	0	1
CD200R1L	0	0	0	1
DRD3	0	0	0	1
MIR568	0	0	0	1
MIR4796	0	0	0	1
ILDR1	0	0	0	1
SEMA5B	0	0	0	1
ROPN1	0	0	0	1
MIR5092	0	0	0	1
MIR5481	0	0.903204	inf	1
UROC1	0	0	0	1
C3orf22	0	0.016794	inf	1
DNAJB8	0	0	0	1
C3orf27	0	0	0	1
KIAA1257	0	0	0	1
SNORA58	0	0	0	1
MIR5704	0	0	0	1
C3orf36	0	0	0	1
SLCO2A1	0	0	0	1
A4GNT	0	0	0	1
FOXL2	0	0	0	1
PRR23B	0	0	0	1
PISRT1	0	0	0	1
RBP2	0	0	0	1
RBP1	0	0	0	1
PCOLCE2	0	0	0	1

PAQR9	0	0	0	1
PLOD2	0	0	0	1
PLSCR2	0	0	0	1
PLSCR5	0	0	0	1
ZIC4	0	0	0	1
TM4SF18	0	0	0	1
ANKUB1	0	0	0	1
GPR171	0	0	0	1
P2RY14	0	0	0	1
P2RY13	0	0	0	1
P2RY12	0	0	0	1
IGSF10	0	0	0	1
MIR5186	0	0	0	1
GPR149	0	0	0	1
LOC100507537	0	0	0	1
KCNAB1-AS2	0	0	0	1
KCNAB1-AS1	0	0	0	1
LOC339894	0	0.0102155	inf	1
SPTSSB	0	0	0	1
CT64	0	0	0	1
SI	0	0.00140636	inf	1
SLITRK3	0	0	0	1
BCHE	0	0	0	1
ZBBX	0	0	0	1
SERPINI2	0	0	0	1
WDR49	0	0	0	1
LRRC31	0	0	0	1
SLC2A2	0	0	0	1
MIR569	0	0	0	1
GHSR	0	0	0	1
TNFSF10	0	0	0	1
SPATA16	0	0	0	1
NAALADL2-AS3	0	0	0	1
FLJ46066	0	0	0	1
KLHL6	0	0.00132679	inf	1
LIPH	0	0.00359051	inf	1
LOC253573	0	0	0	1
ADIPOQ-AS1	0	0.00267763	inf	1
RPL39L	0	0.0190579	inf	1
MASP1	0	0	0	1
SST	0	0	0	1
RTP2	0	0	0	1
LEPREL1	0	0	0	1
CLDN1	0	0	0	1
TMEM207	0	0	0	1
GMNC	0	0	0	1
ATP13A5	0	0.00240655	inf	1
LOC647323	0	0	0	1
DPPA2P3	0	0	0	1
LOC100131551	0	0	0	1
CPN2	0	0	0	1
MIR5692C1	0	0	0	1
APOD	0	0	0	1
ZDHHC19	0	0	0	1
MIR4797	0	0	0	1
ZNF141	0	0	0	1
FLJ35424	0	0	0	1
STK32B	0	0	0	1
LOC285484	0	0	0	1
SORCS2	0	0.00241215	inf	1
MIR4798	0	0	0	1
MIR4274	0	0	0	1
HTRA3	0	0	0	1
GPR78	0	0	0	1
LOC650293	0	0.0502716	inf	1
USP17L10	0	0	0	1
USP17L18	0	0	0	1
USP17L21	0	0	0	1
USP17L13	0	0	0	1
USP17L15	0	0	0	1
USP17L17	0	0	0	1
USP17L18	0	0	0	1
USP17L19	0	0	0	1
USP17L22	0	0	0	1
USP17L12	0	0	0	1
USP17L22	0	0	0	1
USP17L28	0	0	0	1
USP17L26	0	0	0	1
USP17L24	0	0	0	1

USP17L28	0	0	0	1
USP17L25	0	0	0	1
USP17L30	0	0	0	1
USP17L27	0	0	0	1
USP17L9P	0	0	0	1
USP17L27	0	0	0	1
USP17L6P	0	0	0	1
MIR572	0	0	0	1
MIR5091	0	0	0	1
LOC152742	0	0	0	1
C1QTNF7	0	0	0	1
CD38	0	0	0	1
CLRN2	0	0	0	1
SLIT2	0	0	0	1
SLIT2-IT1	0	0	0	1
MIR218-1	0	0	0	1
GBA3	0	0	0	1
SOD3	0	0	0	1
SLC34A2	0	0	0	1
MIR4275	0	0	0	1
PCDH7	0	0	0	1
DTHD1	0	0	0	1
KIAA1239	0	0.00104597	inf	1
MIR574	0	0	0	1
RHOH	0	0	0	1
CHRNA9	0	0	0	1
UCHL1	0	0	0	1
SHISA3	0	0.00701844	inf	1
GABRB1	0	0	0	1
ZAR1	0	0	0	1
CWH43	0	0	0	1
SPATA18	0	0	0	1
MIR4449	0	0	0	1
LOC152578	0	0	0	1
RASL11B	0	0.00684881	inf	1
LNK1-AS1	0	0	0	1
LNK1-AS2	0	0	0	1
GSX2	0	0	0	1
KIT	0	0	0	1
LOC644145	0	0	0	1
THEGL	0	0	0	1
LOC255130	0	0	0	1
LPHN3	0	0	0	1
LOC100144602	0	0	0	1
LOC550113	0	0	0	1
FTLP10	0	0	0	1
TMPRSS11E	0	0	0	1
UGT2B10	0	0	0	1
UGT2B7	0	0	0	1
UGT2B28	0	0	0	1
CSN1S1	0	0	0	1
STATH	0	0	0	1
HTN3	0	0	0	1
HTN1	0	0	0	1
CSN1S2AP	0	0	0	1
CSN1S2BP	0	0	0	1
ODAM	0	0	0	1
FDCSP	0	0	0	1
CSN3	0	0	0	1
CABS1	0	0	0	1
SMR3A	0	0	0	1
SMR3B	0	0	0	1
PROL1	0	0	0	1
MUC7	0	0	0	1
AMTN	0	0	0	1
AMBN	0	0	0	1
ENAM	0	0	0	1
NPFFR2	0	0	0	1
ALB	0	0.00377092	inf	1
AFP	0	0	0	1
AFM	0	0	0	1
LOC728040	0	0	0	1
CXCL6	0	0	0	1
PF4V1	0	0	0	1
AREG	0	0	0	1
AREG	0	0	0	1
LOC441025	0	0	0	1
ART3	0	0	0	1
MIR4450	0	0	0	1

CXCL13	0	0	0	1
ANXA3	0	0	0	1
LOC100505702	0	0	0	1
LOC100506035	0	0.00428256	inf	1
GDEP	0	0	0	1
MIR4451	0	0	0	1
DSPP	0	0	0	1
IBSP	0	0	0	1
MEPE	0	0.00383334	inf	1
LOC644248	0	0	0	1
MMRN1	0	0	0	1
CCSER1	0	0	0	1
GRID2	0	0	0	1
ATOH1	0	0	0	1
BMPR1B	0	0	0	1
PDHA2	0	0	0	1
MIR3684	0	0	0	1
C4orf17	0	0	0	1
DAPP1	0	0	0	1
BANK1	0	0	0	1
ARHGEF38-IT1	0	0	0	1
MIR1243	0	0	0	1
MIR577	0	0	0	1
MIR1973	0	0	0	1
NDST3	0	0	0	1
CEP170P1	0	0	0	1
MYOZ2	0	0	0	1
PP12613	0	0	0	1
ADAD1	0	0	0	1
LOC285419	0	0	0	1
FAT4	0	0	0	1
MIR2054	0	0	0	1
PCDH10	0	0	0	1
LINC00499	0	0	0	1
SCOC	0	0	0	1
HHIP	0	0	0	1
C4orf51	0	0	0	1
POU4F2	0	0	0	1
EDNRA	0	0	0	1
MIR4799	0	0	0	1
TLR2	0	0	0	1
RBM46	0	0	0	1
NPY2R	0	0	0	1
GUCY1A3	0	0	0	1
GUCY1B3	0	0	0	1
GLRB	0	0	0	1
GRIA2	0	0	0	1
LOC340017	0	0	0	1
RXFP1	0	0	0	1
MIR3688-2	0	0	0	1
NPY5R	0	0	0	1
MIR5684	0	0	0	1
LOC100506013	0	0	0	1
FAM218A	0	0	0	1
TRIM60	0	0	0	1
CPE	0	0	0	1
MIR578	0	0	0	1
TLL1	0	0	0	1
ANXA10	0	0.00578938	inf	1
LOC100506122	0	0.00428511	inf	1
GALNTL6	0	0	0	1
NBLA00301	0	0	0	1
MIR4276	0	0	0	1
ADAM29	0	0	0	1
WDR17	0	0	0	1
LOC285501	0	0	0	1
MIR1305	0	0	0	1
FAM92A1P2	0	0	0	1
STOX2	0	0	0	1
HELT	0	0	0	1
F11	0	0	0	1
TRIML1	0	0	0	1
LOC401164	0	0	0	1
DUX2	0	0	0	1
DUX4L4	0	0	0	1
DUX4L5	0	0	0	1
DUX4L6	0	0	0	1
DUX4L4	0	0	0	1
DUX4	0	0	0	1

DUX4L3	0	0	0	1
DUX4	0	0	0	1
RNF212	0	0	0	1
TMED11P	0	0	0	1
HTT-AS1	0	0	0	1
LOC100133461	0	0	0	1
OTOP1	0	0	0	1
CYTL1	0	0	0	1
EVC2	0	0	0	1
MIR378D1	0	0	0	1
JAKMIP1	0	0	0	1
PSAPL1	0	0	0	1
HMX1	0	0	0	1
MIR548I2	0	0	0	1
MIR3138	0	0	0	1
ZNF518B	0	0	0	1
CLNK	0	0	0	1
HS3ST1	0	0	0	1
LOC285547	0	0	0	1
NKX3-2	0	0	0	1
LOC285548	0	0	0	1
LOC441009	0	0	0	1
FGFBP1	0	0	0	1
FGFBP2	0	0	0	1
LDB2	0	0	0	1
MIR548AX	0	0	0	1
KCNIP4-IT1	0	0	0	1
MIR548AJ2	0	0	0	1
PPARGC1A	0	0	0	1
MIR573	0	0	0	1
CCKAR	0	0	0	1
MIR4801	0	0	0	1
TLR10	0	0.00197888	inf	1
MIR4802	0	0	0	1
PHOX2B	0	0	0	1
KCTD8	0	0	0	1
YIPF7	0	0.0253975	inf	1
GABRG1	0	0	0	1
GABRA2	0	0.00831074	inf	1
GABRA4	0	0	0	1
ERVMER34-1	0	0.00332348	inf	1
KDR	0	0	0	1
HOPX	0	0	0	1
SPINK2	0	0	0	1
TECRL	0	0	0	1
LOC401134	0	0	0	1
EPHA5	0	0	0	1
TMPRSS11A	0	0	0	1
TMPRSS11GP	0	0	0	1
TMPRSS11F	0	0	0	1
SYT14L	0	0	0	1
TMPRSS11BNL	0	0	0	1
TMPRSS11B	0	0.00593008	inf	1
UGT2B15	0	0.00359859	inf	1
UGT2A3	0	0	0	1
UGT2B10	0	0	0	1
UGT2B11	0	0	0	1
UGT2B4	0	0	0	1
UGT2A1,UGT2A2	0	0	0	1
SULT1B1	0	0	0	1
SULT1E1	0	0	0	1
CSN2	0	0	0	1
GC	0	0	0	1
ADAMTS3	0	0	0	1
RASSF6	0	0	0	1
PF4	0	0	0	1
PPBP	0	0	0	1
CXCL5	0	0	0	1
PPBPP2	0	0	0	1
CXCL9	0	0	0	1
CXCL10	0	0	0	1
CXCL11	0	0	0	1
NAA11	0	0	0	1
GK2	0	0	0	1
PRKG2	0	0	0	1
LINC00575	0	0	0	1
MIR575	0	0	0	1
NKX6-1	0	0	0	1
MAPK10	0	0	0	1

MIR5705	0	0	0	1
GPRIN3	0	0	0	1
SNCA	0	0	0	1
HPGDS	0	0	0	1
UNC5C	0	0	0	1
ADH4	0	0	0	1
PCNAP1	0	0	0	1
ADH1A	0	0	0	1
ADH1B	0	0	0	1
ADH1C	0	0	0	1
ADH7	0	0	0	1
EMCN	0	0	0	1
EMCN-IT3	0	0	0	1
TACR3	0	0	0	1
GIMD1	0	0	0	1
DKK2	0	0	0	1
AGXT2L1	0	0	0	1
COL25A1	0	0	0	1
CFI	0	0	0	1
MIR367	0	0	0	1
MIR302D	0	0	0	1
MIR302A	0	0	0	1
MIR302C	0	0	0	1
MIR302B	0	0	0	1
NDST4	0	0	0	1
TRAM1L1	0	0	0	1
FABP2	0	0	0	1
TNIP3	0	0	0	1
QRFPR	0	0	0	1
TMEM155	0	0	0	1
TRPC3	0	0	0	1
IL2	0	0	0	1
IL21	0	0	0	1
PABPC4L	0	0	0	1
LINC00616	0	0	0	1
LOC100129858	0	0	0	1
CLGN	0	0	0	1
UCP1	0	0	0	1
TBC1D9	0	0	0	1
TNRC18P1	0	0.00596352	inf	1
RNF150	0	0	0	1
INPP4B	0	0	0	1
FREM3	0	0	0	1
GYPE	0	0	0	1
GYPB	0	0	0	1
GYPA	0	0	0	1
LOC100505545	0	0	0	1
MIR3140	0	0	0	1
TMEM154	0	0	0	1
RNF175	0	0	0	1
SFRP2	0	0	0	1
DCHS2	0	0	0	1
FGA	0	0	0	1
FGG	0	0	0	1
MAP9	0	0	0	1
ASIC5	0	0	0	1
PDGFC	0	0	0	1
C4orf45	0	0	0	1
MIR3688-1	0	0	0	1
NPY1R	0	0	0	1
TKTL2	0	0	0	1
ANP32C	0	0	0	1
SPOCK3	0	0	0	1
LOC100506085	0	0.00166387	inf	1
SCRG1	0	0.0155107	inf	1
HAND2	0	0	0	1
GLRA3	0	0	0	1
ASB5	0	0	0	1
VEGFC	0	0.0046566	inf	1
LINC00290	0	0	0	1
MIR3945	0	0	0	1
LOC100506229	0	0	0	1
PDLIM3	0	0	0	1
LOC285441	0	0	0	1
MTNR1A	0	0	0	1
LOC339975	0	0	0	1
SLC6A19	0	0	0	1
SLC6A18	0	0	0	1
IRX1	0	0	0	1

LOC340094	0	0	0	1
UBE2QL1	0	0	0	1
LOC255167	0	0	0	1
ADCY2	0	0	0	1
LOC100505806	0	0	0	1
SNORD123	0	0	0	1
CT49	0	0	0	1
FBXL7	0	0	0	1
BASP1	0	0	0	1
PMCHL1	0	0	0	1
PRDM9	0	0	0	1
LSP1P3	0	0	0	1
LOC340113	0	0	0	1
RXFP3	0	0	0	1
TTC23L	0	0.00686432	inf	1
IL7R	0	0.00202749	inf	1
SLC1A3	0	0	0	1
EGFLAM	0	0	0	1
CCDC152	0	0	0	1
NNT	0	0	0	1
HSPB3	0	0	0	1
SNX18	0	0	0	1
GZMK	0	0	0	1
GZMA	0	0	0	1
DDX4	0	0.00656093	inf	1
GAPT	0	0	0	1
RAB3C	0	0	0	1
PART1	0	0.00301206	inf	1
C5orf64	0	0.00332881	inf	1
RNF180	0	0	0	1
RGS7BP	0	0	0	1
FAM159B	0	0.0185602	inf	1
SERF1A	0	0	0	1
CARTPT	0	0	0	1
MIR4803	0	0	0	1
MIR4804	0	0	0	1
TMEM171	0	0.0100518	inf	1
TMEM174	0	0	0	1
ANKDD1B	0	0	0	1
SV2C	0	0	0	1
NCRUPAR	0	0	0	1
F2RL1	0	0	0	1
S100Z	0	0.0110851	inf	1
CRHBP	0	0	0	1
BHMT	0	0	0	1
SPZ1	0	0	0	1
RNU5E-1	0	0	0	1
CKMT2	0	0	0	1
MIR3977	0	0	0	1
NBPF22P	0	0.00641909	inf	1
MIR3607	0	0	0	1
MIR548AO	0	0	0	1
GPR150	0	0	0	1
MIR583	0	0	0	1
RAB9BP1	0	0	0	1
LOC100289673	0	0.0122442	inf	1
CAMK4	0	0	0	1
NREP-AS1	0	0	0	1
FLJ11235	0	0	0	1
ARL14EPL	0	0	0	1
LOC728342	0	0	0	1
MIR1244-2	0	0	0	1
FAM170A	0	0	0	1
PRR16	0	0	0	1
FTMT	0	0	0	1
GRAMD3	0	0	0	1
MEGF10	0	0	0	1
CTXN3	0	0	0	1
SLC27A6	0	0	0	1
MIR4633	0	0	0	1
ADAMTS19	0	0	0	1
KIAA1024L	0	0	0	1
CHSY3	0	0	0	1
IL3	0	0	0	1
PDLIM4	0	0	0	1
IL4	0	0	0	1
SOWAHA	0	0.0107978	inf	1
MIR3661	0	0	0	1
SLC25A48	0	0	0	1

FBXL21	0	0	0	1
NPY6R	0	0	0	1
MYOT	0	0	0	1
PKD2L2	0	0.00314066	inf	1
WNT8A	0	0	0	1
PSD2	0	0.00265991	inf	1
VTRNA1-2	0	0	0	1
PCDHB1	0	0	0	1
MIR5197	0	0	0	1
HMBB1	0	0	0	1
POU4F3	0	0	0	1
STK32A	0	0	0	1
JAKMIP2-AS1	0	0	0	1
SCGB3A2	0	0	0	1
SPINK5	0	0	0	1
SPINK14	0	0	0	1
SPINK6	0	0	0	1
SPINK13	0	0	0	1
SPINK7	0	0	0	1
SPINK9	0	0	0	1
ADRB2	0	0	0	1
CDX1	0	0	0	1
SLC6A7	0	0	0	1
GRIA1	0	0	0	1
KIF4B	0	0.00373644	inf	1
SGCD	0	0	0	1
ITK	0	0	0	1
NIPAL4	0	0	0	1
C5orf52	0	0	0	1
ADRA1B	0	0	0	1
MIR3142	0	0	0	1
MIR146A	0	0	0	1
GABRA6	0	0	0	1
GABRA1	0	0	0	1
GABRG2	0	0	0	1
TENM2	0	0.00317531	inf	1
MIR103B1	0	0	0	1
DOCK2	0	0	0	1
MIR378E	0	0	0	1
FOX11	0	0	0	1
C5orf58	0	0	0	1
KCNIP1	0	0	0	1
GABRP	0	0	0	1
TLX3	0	0	0	1
C5orf47	0	0	0	1
MIR4634	0	0	0	1
HRH2	0	0.00696216	inf	1
CPLX2	0	0.00491057	inf	1
FAM153B	0	0	0	1
EIF4E1B	0	0	0	1
SLC34A1	0	0.00886135	inf	1
ZNF879	0	0	0	1
ZNF354C	0	0	0	1
LINC00847	0	0	0	1
BTNL8	0	0	0	1
BTNL3	0	0	0	1
OR2V2	0	0	0	1
LOC100132062,LOC100133	0	0	0	1
OR4F3	0	0	0	1
MIR4456	0	0	0	1
LOC100506688	0	0.00418438	inf	1
MIR4635	0	0	0	1
MIR4457	0	0	0	1
SLC6A3	0	0.00324718	inf	1
MIR4277	0	0	0	1
IRX4	0	0	0	1
LOC285577	0	0	0	1
MIR4278	0	0	0	1
MIR4454	0	0	0	1
LOC442132	0	0	0	1
C5orf49	0	0	0	1
MIR4636	0	0	0	1
TAS2R1	0	0	0	1
LOC285692	0	0	0	1
CTNND2	0	0	0	1
MIR4637	0	0	0	1
MARCH11	0	0	0	1
LOC401177	0	0	0	1
CDH18	0	0	0	1

CDH10	0	0	0	1
LOC340107	0	0	0	1
CDH9	0	0	0	1
MIR4279	0	0	0	1
ADAMTS12	0	0	0	1
PRLR	0	0	0	1
CAPSL	0	0	0	1
UGT3A2	0	0	0	1
MIR580	0	0	0	1
GDNF	0	0	0	1
EGFLAM-AS4	0	0	0	1
LIFR	0	0	0	1
MIR3650	0	0	0	1
FYB	0	0	0	1
C9	0	0	0	1
SNORD72	0	0	0	1
MROH2B	0	0	0	1
C6	0	0	0	1
PLCXD3	0	0	0	1
CCL28	0	0	0	1
FGF10	0	0	0	1
HCN1	0	0	0	1
MIR581	0	0	0	1
ESM1	0	0	0	1
MIR449A	0	0	0	1
MIR449B	0	0	0	1
MIR449C	0	0	0	1
MIR5687	0	0	0	1
ANKRD55	0	0	0	1
ACTBL2	0	0	0	1
HTR1A	0	0	0	1
CD180	0	0	0	1
ZNF366	0	0	0	1
F2RL2	0	0	0	1
OTP	0	0	0	1
LOC644936	0	0	0	1
ANKRD34B	0	0.00268197	inf	1
HAPLN1	0	0	0	1
EDIL3	0	0	0	1
MIR4280	0	0	0	1
LINC00461_MIR9-2	0	0	0	1
MEF2C	0	0.00306562	inf	1
MIR3660	0	0	0	1
PCSK1	0	0.00152873	inf	1
LIX1	0	0	0	1
SLCO4C1	0	0	0	1
SLCO6A1	0	0	0	1
TMEM232	0	0.00231763	inf	1
TSSK1B	0	0	0	1
MGC32805	0	0	0	1
ZNF608	0	0	0	1
FBN2	0	0	0	1
MIR4460	0	0	0	1
MIR3936	0	0	0	1
IL5	0	0	0	1
FSTL4	0	0	0	1
MIR1289-2	0	0	0	1
LOC340073	0	0	0	1
C5orf20	0	0	0	1
TIFAB	0	0	0	1
IL9	0	0	0	1
LECT2	0	0	0	1
VTRNA2-1	0	8.55584	inf	1
TRPC7	0	0	0	1
MIR874	0	0	0	1
NME5	0	0	0	1
SNORD63	0	0	0	1
LOC729080	0	0	0	1
ARHGAP26-AS1	0	0	0	1
NR3C1	0	0.00362267	inf	1
GRXCR2	0	0	0	1
PPP2R2B	0	0	0	1
PPP2R2B-IT1	0	0	0	1
C5orf46	0	0	0	1
HTR4	0	0	0	1
CAMK2A	0	0	0	1
SLC36A3	0	0.00300443	inf	1
SPARC	0	0	0	1
GLRA1	0	0	0	1

NMUR2	0	0	0	1
HAND1	0	0	0	1
MIR3141	0	0	0	1
FAM71B	0	0	0	1
SOX30	0	0	0	1
EBF1	0	0.00186742	inf	1
IL12B	0	0	0	1
LOC285627	0	0	0	1
ATP10B	0	0	0	1
LOC285629	0	0	0	1
GABRB2	0	0	0	1
MIR103A1	0	0	0	1
SLIT3	0	0	0	1
MIR218-2	0	0	0	1
MIR585	0	0	0	1
FAM196B	0	0	0	1
LCP2	0	0	0	1
MIR3912	0	0	0	1
STC2	0	0.00449192	inf	1
FLJ16171	0	0	0	1
DRD1	0	0	0	1
SNCB	0	0	0	1
MIR4281	0	0	0	1
FAM153A	0	0	0	1
PROP1	0	0	0	1
MIR1229	0	0	0	1
MIR340	0	0	0	1
SCGB3A1	0	0	0	1
OR2Y1	0	0	0	1
OR2V1	0	0	0	1
MIR4638	0	0	0	1
SNORD96A	0	0	0	1
FOXQ1	0	0	0	1
FOXF2	0	0	0	1
FAM50B	0	0	0	1
C6orf201	0	0	0	1
PPP1R3G	0	0	0	1
LY86	0	0	0	1
HULC	0	0	0	1
MIR5689	0	0	0	1
TMEM170B	0	0	0	1
RNF182	0	0	0	1
MIR4639	0	0	0	1
STMND1	0	0	0	1
RBM24	0	0	0	1
MIR548A1	0	0	0	1
ID4	0	0	0	1
LINC00340	0	0	0	1
HDGFL1	0	0	0	1
SCGN	0	0	0	1
HIST1H2BA	0	0	0	1
HIST1H2APS1	0	0	0	1
SLC17A4	0	0	0	1
HIST1H3C	0	0.0653818	inf	1
HIST1H4F	0	0	0	1
BTN1A1	0	0	0	1
HCG11	0	0.00287515	inf	1
MIR3143	0	0	0	1
VN1R10P	0	0	0	1
LOC100507173	0	0.00483464	inf	1
HIST1H2AL	0	0	0	1
GPX5	0	0	0	1
LOC100129636	0	0	0	1
OR2J3	0	0	0	1
OR2J2	0	0	0	1
OR14J1	0	0	0	1
OR12D2	0	0	0	1
OR10C1	0	0	0	1
LOC100507362	0	0	0	1
SNORD32B	0	0	0	1
MOG	0	0.00554779	inf	1
MIR877	0	0	0	1
MIR4640	0	0	0	1
MUC21	0	0	0	1
MUC22	0	0	0	1
HCG22	0	0	0	1
HCG26	0	0.0163395	inf	1
AIF1	0	0.0269571	inf	1
LY6G6F	0	0	0	1

SNORD48	0	0	0	1
SNORD52	0	0	0	1
STK19	0	0	0	1
HCG23	0	0	0	1
HLA-DRA	0	0	0	1
HLA-DQA1	0	0	0	1
HLA-DQA2	0	0	0	1
HLA-DPB1	0	0	0	1
HLA-DPB2	0	0	0	1
MIR219-1	0	5.49296	inf	1
CLPSL2	0	0	0	1
CLPSL1	0	0	0	1
PI16	0	0	0	1
FGD2	0	0.00404436	inf	1
DNAH8	0	0	0	1
GLP1R	0	0	0	1
DAAM2	0	0	0	1
TDRG1	0	0	0	1
TREML4	0	0	0	1
TREML5P	0	0	0	1
NCR2	0	0	0	1
MIR4641	0	0	0	1
ATP6V0CP3	0	0	0	1
PTCRA	0	0	0	1
TTBK1	0	0.00219808	inf	1
SLC22A7	0	0	0	1
SPATS1	0	0	0	1
MIR4642	0	0	0	1
ANKRD66	0	0	0	1
MEP1A	0	0.0102041	inf	1
GPR115	0	0	0	1
OPN5	0	0	0	1
GLYATL3	0	0	0	1
TFAP2D	0	0	0	1
TFAP2B	0	0	0	1
MIR206	0	0	0	1
MIR133B	0	0	0	1
IL17A	0	0	0	1
MIR5685	0	0	0	1
MLIP-IT1	0	0	0	1
MLIP	0	0	0	1
TINAG	0	0	0	1
HCRTR2	0	0	0	1
GFRAL	0	0	0	1
BEND6	0	0	0	1
SLC25A51P1	0	0	0	1
BAI3	0	0	0	1
FAM135A	0	0	0	1
KHDC3L	0	0	0	1
RNY4	0	0	0	1
PRSS35	0	0	0	1
RIPPLY2	0	0	0	1
HTR1E	0	0	0	1
SPACA1	0	0	0	1
GJA10	0	0	0	1
MIR4464	0	0	0	1
MIR4643	0	0	0	1
FUT9	0	0	0	1
FHL5	0	0	0	1
MIR2113	0	0	0	1
POU3F2	0	0	0	1
LOC728012	0	0	0	1
GRIK2	0	0	0	1
LIN28B	0	0	0	1
BVES-AS1	0	0	0	1
NR2E1	0	0.00418696	inf	1
CCDC162P	0	0	0	1
GPR6	0	0	0	1
RFPL4B	0	0	0	1
FLJ34503	0	0	0	1
FAM26D	0	0	0	1
RFX6	0	0	0	1
VGLL2	0	0	0	1
LOC100287632	0	0	0	1
CLVS2	0	0	0	1
NKAIN2	0	0	0	1
LOC643623	0	0	0	1
RSPO3	0	0	0	1
TMEM200A	0	0	0	1

ARG1	0	0	0	1
LOC100507254	0	0	0	1
TAAR9	0	0	0	1
TAAR8	0	0	0	1
TAAR6	0	0	0	1
SNORD101	0	0	0	1
SNORD100	0	0	0	1
LINC00326	0	0	0	1
EYA4	0	0	0	1
MGC34034	0	0	0	1
TCF21	0	0	0	1
LOC154092	0	0	0	1
LINC00271	0	0	0	1
LOC100132735	0	0	0	1
MIR3668	0	0	0	1
MIR4465	0	0	0	1
ZC2HC1B	0	0	0	1
GRM1	0	0	0	1
RAB32	0	0	0	1
ADGB	0	0	0	1
PPP1R14C	0	0	0	1
IYD	0	0	0	1
ESR1	0	0	0	1
OPRM1	0	0	0	1
MIR3692	0	0	0	1
SYNJ2-IT1	0	0	0	1
FNDC1	0	0	0	1
MAS1	0	0	0	1
LINC00602	0	0	0	1
TCP10L2	0	0	0	1
UNC93A	0	0	0	1
TLL2	0	0	0	1
KIF25	0	0	0	1
SMOC2	0	0	0	1
MIR4644	0	0	0	1
LOC285768	0	0	0	1
MIR4645	0	0	0	1
PXDC1	0	0	0	1
FAM217A	0	0	0	1
MIR3691	0	0	0	1
F13A1	0	0	0	1
LY86-AS1	0	0	0	1
CAGE1	0	0.0125926 inf	0	1
SCARNA27	0	0	0	1
GCM2	0	0	0	1
ELOVL2	0	0	0	1
NHLRC1	0	0	0	1
LOC729177	0	0.00403517 inf	0	1
PRL	0	0	0	1
FAM65B	0	0	0	1
CMAHP	0	0	0	1
HIST1H2AA	0	0	0	1
SLC17A1	0	0	0	1
SLC17A3	0	0	0	1
SLC17A2	0	0	0	1
HIST1H2BB	0	0	0	1
HIST1H4G	0	0	0	1
POM121L2	0	0	0	1
HIST1H4K	0	0.382585 inf	0	1
HIST1H4L	0	0	0	1
OR2B2	0	0	0	1
ZSCAN23	0	0	0	1
GPX6	0	0	0	1
ZNF311	0	0	0	1
OR2W1	0	0	0	1
OR5V1	0	0	0	1
OR12D3	0	0	0	1
OR11A1	0	0	0	1
MAS1L	0	0	0	1
UBD	0	0	0	1
ZFP57	0	0	0	1
IFITM4P	0	0.219601 inf	0	1
HCG4	0	0.00642414 inf	0	1
TRIM10	0	0	0	1
SFTA2	0	0	0	1
C6orf15	0	0	0	1
SNORD117	0	0	0	1
SNORD84	0	0	0	1
MIR4646	0	0	0	1

LY6G6E	0	0	0	1
MIR1236	0	0	0	1
TNXB	0	0	0	1
C6orf10	0	0	0	1
BTNL2	0	0	0	1
HLA-DQB1	0	0	0	1
HLA-DQB2	0	0	0	1
HLA-DOA	0	0	0	1
IP6K3	0	0.00523423	inf	1
MLN	0	0	0	1
LOC100507584	0	0	0	1
MIR1275	0	0	0	1
GRM4	0	0	0	1
MIR5690	0	0	0	1
C6orf222	0	0	0	1
ETV7	0	0	0	1
MIR3925	0	0	0	1
MIR4462	0	0	0	1
MDGA1	0	0.00178548	inf	1
LOC100131047	0	0	0	1
KCNK17	0	0	0	1
KCNK16	0	0	0	1
KIF6	0	0	0	1
MOC51	0	0	0	1
FLJ41649	0	0	0	1
LRFN2	0	0	0	1
TREML1	0	0	0	1
TREML2	0	0	0	1
TREML3P	0	0	0	1
PGC	0	0	0	1
CRIP3	0	0	0	1
DLK2	0	0.0251713	inf	1
MIR586	0	0	0	1
CLIC5	0	0	0	1
PLA2G7	0	0	0	1
GPR116	0	0	0	1
RHAG	0	0	0	1
CRISP2	0	0	0	1
CRISP3	0	0	0	1
PGK2	0	0	0	1
CRISP1	0	0	0	1
DEFB133	0	0	0	1
DEFB114	0	0	0	1
DEFB113	0	0	0	1
DEFB110	0	0	0	1
DEFB112	0	0	0	1
PKHD1	0	0	0	1
IL17F	0	0.016419	inf	1
GSTA7P	0	0	0	1
GSTA2	0	0	0	1
GSTA1	0	0	0	1
GSTA5	0	0	0	1
GSTA3	0	0	0	1
ELOVL5	0	0	0	1
RPS16P5	0	0	0	1
HMGCLL1	0	0	0	1
BMP5	0	0	0	1
COL21A1	0	0	0	1
RNU6-71	0	0	0	1
KHDRBS2	0	0	0	1
COL9A1	0	0	0	1
MIR30C2	0	0	0	1
MIR30A	0	0	0	1
LINC00472	0	0	0	1
MIR4282	0	0	0	1
KCNQ5-AS1	0	0	0	1
KHDC1L	0	0	0	1
KHDC1	0	0	0	1
DPPA5	0	0.0315364	inf	1
COL12A1	0	0	0	1
HTR1B	0	0	0	1
C6orf7	0	0	0	1
ELOVL4	0	0	0	1
ME1	0	0	0	1
SNAP91	0	0	0	1
TBX18	0	0	0	1
SNORD50B	0	0	0	1
CGA	0	0	0	1
CNR1	0	0	0	1

GABRR1	0	0	0	1
BACH2	0	0	0	1
EPHA7	0	0	0	1
MIR548H3	0	0	0	1
MCHR2	0	0	0	1
SIM1	0	0	0	1
LINC00577	0	0	0	1
POPDC3	0	0	0	1
LOC100422737	0	0	0	1
SCML4	0	0	0	1
METTL24	0	0	0	1
SLC22A16	0	0	0	1
GSTM2P1	0	0	0	1
LAMA4	0	0	0	1
LOC285758	0	0	0	1
HS3ST5	0	0	0	1
BET3L	0	0	0	1
FAM162B	0	0	0	1
GPRC6A	0	0	0	1
ROS1	0	0	0	1
FAM184A	0	0	0	1
MIR548B	0	0	0	1
LOC285762	0	0	0	1
TRDN	0	0	0	1
MIR5695	0	0	0	1
THEMIS	0	0	0	1
TMEM244	0	0	0	1
SAMD3	0	0	0	1
OR2A4	0	0	0	1
MOXD1	0	0	0	1
TAAR5	0	0	0	1
TAAR3	0	0	0	1
TAAR2	0	0	0	1
TAAR1	0	0	0	1
VNN1	0	0	0	1
VNN3	0	0	0	1
VNN2	0	0	0	1
HMGA1P7	0	0	0	1
MIR3662	0	0	0	1
IL22RA2	0	0	0	1
OLIG3	0	0	0	1
LOC100130476	0	0	0	1
MIR3145	0	0	0	1
TXLNB	0	0	0	1
LOC645434	0	0	0	1
LOC153910	0	0	0	1
LOC729176	0	0	0	1
LOC100128176	0	0	0	1
NOX3	0	0	0	1
MIR4466	0	0	0	1
MIR3918	0	0	0	1
TAGAP	0	0	0	1
SNORA29	0	0.953165 inf	0	1
SLC22A2	0	0	0	1
LPA	0	0	0	1
PACRG-AS1	0	0	0	1
DKFZp451B082	0	0	0	1
CAHM	0	0	0	1
C6orf118	0	0	0	1
PDE10A	0	0	0	1
LINC00473	0	0	0	1
T	0	0	0	1
RPS6KA2-IT1	0	0.0271007 inf	0	1
MIR1913	0	0	0	1
MIR3939	0	0	0	1
GPR31	0	0	0	1
TCP10	0	0	0	1
HGC6.3	0	0.0146934 inf	0	1
FRMD1	0	0	0	1
DACT2	0	0.00562183 inf	0	1
LOC154449	0	0	0	1
FAM20C	0	0	0	1
LOC100288524	0	0	0	1
LOC442497	0	0	0	1
UNCX	0	0	0	1
TFAMP1	0	0.00479286 inf	0	1
NXPH1	0	0	0	1
PER4	0	0	0	1
LOC100506025	0	0.00446015 inf	0	1

LRRC72	0	0	0	1
MACC1-AS1	0	0	0	1
ITGB8	0	0	0	1
IL6	0	0	0	1
SNORD93	0	0	0	1
NPY	0	0	0	1
C7orf71	0	0	0	1
EVX1	0	0	0	1
LOC100506497	0	0	0	1
WIPF3	0	0	0	1
MIR550A1	0	0	0	1
GHRHR	0	0	0	1
CCDC129	0	0	0	1
PPP1R17	0	0	0	1
NPSR1	0	0	0	1
LOC401324	0	0	0	1
GPR141	0	0	0	1
NME8	0	0	0	1
EPDR1	0	0	0	1
LOC100506776	0	0	0	1
POU6F2	0	0	0	1
INHBA-AS1	0	0	0	1
MIR3943	0	0	0	1
MIR4649	0	0	0	1
RAMP3	0	0	0	1
ADCY1	0	0.00569769	inf	1
IGFBP1	0	0	0	1
C7orf65	0	0	0	1
LINC00525	0	0	0	1
C7orf69	0	0	0	1
VWC2	0	0	0	1
C7orf72	0	0	0	1
IKZF1	0	0	0	1
LOC100129427	0	0	0	1
POM121L12	0	0	0	1
VSTM2A	0	0	0	1
LOC285878	0	0	0	1
DKFZp434L192	0	0	0	1
MIR3147	0	0	0	1
ZNF716	0	0.00139904	inf	1
LOC100287704	0	0	0	1
MIR4283-2	0	0	0	1
ZNF727	0	0	0	1
ZNF735	0	0	0	1
ZNF679	0	0	0	1
ZNF736	0	0	0	1
LOC641746	0	0	0	1
WBSCR17	0	0.00433158	inf	1
MIR3914-2	0	0	0	1
MIR4650-1	0	0	0	1
PMS2L2	0	0	0	1
FZD9	0	0	0	1
MIR4284	0	0	0	1
ELN	0	0	0	1
GATSL1	0	0	0	1
SPDYE8P	0	0	0	1
SPDYE8P	0	0	0	1
MIR4651	0	0	0	1
SNORA14A	0	1.40986	inf	1
RPL13AP17	0	0	0	1
MAGI2-AS2	0	0	0	1
MAGI2-AS3	0	0	0	1
MIR548M	0	0	0	1
GRM3	0	0.00301908	inf	1
ZNF804B	0	0	0	1
MIR4652	0	0	0	1
GNGT1	0	0	0	1
GNG11	0	0	0	1
COL1A2	0	0	0	1
PEG10	0	0	0	1
DLX6	0	0	0	1
TAC1	0	0	0	1
NPTX2	0	0	0	1
MIR3609	0	0	0	1
ZAN	0	0	0	1
MUC17	0	0.00125601	inf	1
MIR4653	0	0	0	1
MIR4285	0	0	0	1
MIR4467	0	0	0	1

SPDYE2L	0	0	0	1
LHFPL3	0	0	0	1
PIK3CG	0	0	0	1
PRKAR2B	0	0	0	1
FOXP2	0	0	0	1
MIR3666	0	0	0	1
MDFIC	0	0	0	1
ANKRD7	0	0	0	1
KCND2	0	0	0	1
HYALP1	0	0	0	1
HYAL4	0	0	0	1
SPAM1	0	0	0	1
MIR593	0	0	0	1
MIR129-1	0	0	0	1
CPA2	0	0	0	1
CPA5	0	0	0	1
CPA1	0	0	0	1
MIR335	0	0	0	1
FLJ40288	0	0	0	1
AKR1B10	0	0.00519347	inf	1
AKR1B15	0	0	0	1
STRA8	0	0	0	1
CHRM2	0	0	0	1
MIR490	0	0	0	1
LOC100130880	0	0	0	1
AKR1D1	0	0.00286678	inf	1
MIR4468	0	0	0	1
CLEC2L	0	0	0	1
OR9A4	0	0	0	1
LOC93432	0	0	0	1
PRSS1	0	0	0	1
PRSS2	0	0	0	1
C7orf34	0	0	0	1
OR6V1	0	0	0	1
PIP	0	0	0	1
TAS2R39	0	0	0	1
TAS2R40	0	0	0	1
TAS2R60	0	0	0	1
TAS2R41	0	0	0	1
OR2F2	0	0	0	1
OR2F1	0	0	0	1
OR6B1	0	0	0	1
OR2A5	0	0	0	1
OR2A25	0	0	0	1
OR2A12	0	0	0	1
OR2A2	0	0	0	1
OR2A14	0	0	0	1
OR2A1	0	0.0328361	inf	1
RNU6-57	0	0	0	1
MIR548AQ	0	0	0	1
MIR548F3	0	0	0	1
MIR548T	0	0	0	1
C7orf33	0	0	0	1
KRBA1	0	0	0	1
RNU6-33	0	0	0	1
LOC285972	0	0	0	1
GIMAP8	0	0	0	1
GIMAP7	0	0	0	1
GIMAP4	0	0	0	1
TMEM176A	0	0	0	1
WDR86-AS1	0	0	0	1
GALNTL5	0	0	0	1
HTR5A	0	0	0	1
EN2	0	0	0	1
LOC100506585	0	0	0	1
MIR5707	0	0	0	1
LINC00689	0	0	0	1
MIR339	0	0	0	1
MIR4655	0	0	0	1
CARD11	0	0	0	1
MIR4656	0	0	0	1
RADIL	0	0	0	1
PAPOLB	0	0	0	1
MIR589	0	0	0	1
GRID2IP	0	0	0	1
COL28A1	0	0	0	1
THSD7A	0	0.000768451	inf	1
VWDE	0	0	0	1
AGMO	0	0	0	1

AGR2	0	0	0	1
AGR3	0	0	0	1
PRPS1L1	0	0	0	1
TWIST1	0	0	0	1
FERD3L	0	0	0	1
MIR3146	0	0	0	1
TMEM196	0	0	0	1
CLK2P	0	0	0	1
NPVF	0	0	0	1
RNU6-16	0	0	0	1
MIR148A	0	0	0	1
MIR196B	0	0	0	1
TRIL	0	0	0	1
MIR550A3	0	0	0	1
NEUROD6	0	0	0	1
PDE1C	0	0	0	1
MIR550B2	0	0	0	1
NPSR1-AS1	0	0	0	1
TBX20	0	0	0	1
AOAH	0	0	0	1
AOAH-IT1	0	0	0	1
MIR1200	0	0	0	1
SFRP4	0	0	0	1
TARP	0	0	0	1
AMPH	0	0.00314809	inf	1
POU6F2-AS1	0	0	0	1
INHBA	0	0	0	1
GLI3	0	0	0	1
MYL7	0	0	0	1
GCK	0	0	0	1
IGFBP3	0	0	0	1
ZPBP	0	0	0	1
FLJ45974	0	0	0	1
HPVC1	0	0	0	1
NUPR1L	0	0	0	1
LOC650226	0	0	0	1
LOC100130849	0	0	0	1
MIR4283-2	0	0	0	1
GUSBP10	0	0	0	1
LOC100287834	0	0	0	1
LOC100506050	0	0	0	1
MIR4650-1	0	0	0	1
MIR3914-1	0	0	0	1
CALN1	0	0	0	1
GTF2IRD2P1	0	0	0	1
GATSL2	0	0.0163693	inf	1
PMS2L2	0	0	0	1
CCL26	0	0	0	1
CCL24	0	0	0	1
FGL2	0	0.0163131	inf	1
MIR548AU	0	0	0	1
GNAT3	0	0	0	1
ABCB4	0	0.00439507	inf	1
ABCB1	0	0	0	1
STEAP4	0	0	0	1
C7orf62	0	0	0	1
MTERF	0	0	0	1
CALCR	0	0	0	1
MIR653	0	0	0	1
MIR489	0	0	0	1
TFPI2	0	0	0	1
MIR591	0	0	0	1
C7orf76	0	0	0	1
DLX6-AS1	0	0	0	1
DLX5	0	0	0	1
OCM2	0	0	0	1
CYP3A4	0	0.00291289	inf	1
MIR25	0	0	0	1
MIR93	0	0	0	1
MIR106B	0	0	0	1
PCOLCE-AS1	0	0.0201811	inf	1
MYL10	0	0.0243861	inf	1
SLC26A5	0	0	0	1
RELN	0	0	0	1
LHFPL3-AS1	0	0	0	1
LHFPL3-AS2	0	0.00455812	inf	1
LAMB4	0	0	0	1
NRCAM	0	0	0	1
C7orf66	0	0	0	1

EIF3IP1	0	0	0	1
PPP1R3A	0	0	0	1
TFEC	0	0	0	1
WNT2	0	0	0	1
TAS2R16	0	0	0	1
TMEM229A	0	0	0	1
GPR37	0	0	0	1
LOC154872	0	0	0	1
MIR592	0	0	0	1
PAX4	0	0	0	1
MIR182	0	0	0	1
MIR96	0	0	0	1
MIR183	0	0	0	1
KLF14	0	0	0	1
MIR29A	0	0	0	1
MIR29B1	0	0	0	1
PLXNA4	0	0	0	1
LOC349160	0	0	0	1
SVOPL	0	0	0	1
KLRG2	0	0	0	1
CLEC5A	0	0	0	1
TAS2R38	0	0	0	1
MOXD2P	0	0	0	1
PRSS58	0	0	0	1
LOC730441	0	0	0	1
TRPV5	0	0	0	1
OR9A2	0	0	0	1
RNU6-57	0	0	0	1
NOBOX	0	0	0	1
MIR548I4	0	0	0	1
MIR548F4	0	0	0	1
RARRES2	0	0	0	1
GBX1	0	0.0172455	inf	1
ASB10	0	0	0	1
MIR3907	0	0	0	1
LOC100128264	0	0	0	1
SHH	0	0	0	1
LOC285889	0	0	0	1
MIR153-2	0	0	0	1
MIR595	0	0	0	1
DLGAP2	0	0	0	1
MIR596	0	0	0	1
MIR4659A	0	0	0	1
LOC100652791	0	0	0	1
DEFB109P1B	0	0	0	1
USP17L1P	0	0	0	1
USP17L4	0	0	0	1
DEFB105B	0	0	0	1
DEFB107A	0	0	0	1
DEFB106B	0	0	0	1
DEFB104B	0	0	0	1
SPAG11A,SPAG11B	0	0	0	1
DEFB103A,DEFB103B	0	0	0	1
DEFB4A	0	0	0	1
ZNF705B	0	0	0	1
FAM66E	0	0	0	1
MIR4660	0	0	0	1
LOC157273	0	0.00477464	inf	1
MIR597	0	0	0	1
PRSS55	0	0	0	1
C8orf74	0	0	0	1
BLK	0	0	0	1
LINC00208	0	0	0	1
ZNF705D	0	0.00196433	inf	1
FAM66A	0	0	0	1
MIR3926-2	0	0	0	1
TUSC3	0	0	0	1
EFHA2	0	0	0	1
LPL	0	0	0	1
LZTS1-AS1	0	0	0	1
LOC286114	0	0	0	1
SFTPC	0	0	0	1
ADAMDEC1	0	0.00337052	inf	1
ADAM7	0	0	0	1
NEFM	0	0	0	1
MIR3622A	0	0	0	1
PNOC	0	0	0	1
LOC286135	0	0	0	1
NRG1	0	0	0	1

NRG1-IT3	0	0	0	1
KCNU1	0	0	0	1
ADAM5	0	0	0	1
LOC100130964	0	0	0	1
ADAM18	0	0	0	1
IDO2	0	0	0	1
C8orf4	0	0	0	1
CHRN3	0	0	0	1
POTEA	0	0	0	1
LINC00293	0	0	0	1
C8orf22	0	0	0	1
SNTG1	0	0	0	1
NPBWR1	0	0	0	1
SOX17	0	0	0	1
RP1	0	0	0	1
XKR4	0	0	0	1
LOC100507651	0	0.00393032	inf	1
LOC286177	0	0	0	1
LINC00588	0	0	0	1
MIR4470	0	0	0	1
NKAIN3	0	0	0	1
UG0898H09	0	0	0	1
LOC286184	0	0	0	1
LOC100130155	0	0	0	1
MIR124-2	0	0	0	1
BHLHE22	0	0	0	1
LOC100505659	0	0	0	1
PREX2	0	0	0	1
C8orf34	0	0	0	1
LOC100132891	0	0	0	1
RNU6-83	0	0	0	1
KCNB2	0	0	0	1
MIR5681A	0	0	0	1
FLJ39080	0	0	0	1
MIR2052	0	0	0	1
PI15	0	0	0	1
CRISPLD1	0	0	0	1
PKIA	0	0	0	1
STMN2	0	0	0	1
MIR5708	0	0	0	1
ZBTB10	0	0	0	1
RALYL	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
ATP6V0D2	0	0.00845684	inf	1
CNBD1	0	0	0	1
MIR4661	0	0	0	1
MIR3150A	0	0	0	1
SDC2	0	0	0	1
KCNS2	0	0	0	1
MIR4471	0	0	0	1
FLJ42969	0	0.0052228	inf	1
MIR5680	0	0	0	1
ODF1	0	0	0	1
MIR3151	0	0	0	1
DCSTAMP	0	0	0	1
TRHR	0	0.0131965	inf	1
PKHD1L1	0	0	0	1
MIR2053	0	0	0	1
AARD	0	0.00644382	inf	1
SLC30A8	0	0	0	1
MAL2	0	0	0	1
FER1L6	0	0.00174456	inf	1
LOC157381	0	0	0	1
MIR1204	0	0	0	1
MIR1205	0	0	0	1
MIR1206	0	0	0	1
MIR1207	0	0	0	1
MIR1208	0	0	0	1
WISP1	0	0	0	1
LOC286094	0	0	0	1
KHDRBS3	0	0	0	1
LOC731779	0	0	0	1
MIR4472-1	0	0	0	1
GML	0	0	0	1
SCXB	0	0	0	1
SCXA	0	0	0	1
OR4F21	0	0	0	1
LOC286083	0	0	0	1

CSMD1	0	0	0	1
MIR4659B	0	0	0	1
XKR5	0	0	0	1
DEFB1	0	0	0	1
DEFA6	0	0	0	1
DEFA4	0	0	0	1
DEFA8P	0	0	0	1
DEFA9P	0	0	0	1
DEFA10P	0	0	0	1
DEFA1B	0	0	0	1
DEFT1P2	0	0	0	1
DEFA1	0	0	0	1
DEFT1P2	0	0	0	1
DEFA1	0	0	0	1
DEFA11P	0	0	0	1
LOC349196	0	0	0	1
LOC349196	0	0	0	1
LOC349196	0	0	0	1
FAM66B	0	0	0	1
ZNF705G	0	0	0	1
DEFB4B	0	0	0	1
DEFB103A,DEFB103B	0	0	0	1
SPAG11B	0	0	0	1
DEFB104A	0	0	0	1
DEFB106B	0	0	0	1
FAM90A7P	0	0	0	1
FAM90A7P	0	0	0	1
DEFB107B	0	0	0	1
DEFB105A	0	0	0	1
USP17L8	0	0	0	1
USP17L3	0	0	0	1
DEFB109P1B	0	0	0	1
MIR548I3	0	0	0	1
LINC00599	0	0	0	1
MIR124-1	0	0	0	1
MIR1322	0	0	0	1
MIR598	0	0	0	1
LOC100133267	0	0	0	1
LOC392196	0	0	0	1
USP17L7	0	0	0	1
USP17L2	0	0	0	1
DEFB130	0	0	0	1
LOC649352	0	0	0	1
DEFB109P1	0	0	0	1
MIR3926-1	0	0	0	1
LOC340357	0	0	0	1
MIR383	0	0	0	1
FGF20	0	0	0	1
FGL1	0	0	0	1
LOC100128993	0	0	0	1
SLC18A1	0	0	0	1
GFRA2	0	0	0	1
PEBP4	0	0	0	1
NKX2-6	0	0	0	1
NEFL	0	0	0	1
EBF2	0	0	0	1
MIR3622B	0	0	0	1
MIR4287	0	0	0	1
NUGGC	0	0.00582081 inf	0	1
MIR4288	0	0	0	1
LINC00589	0	0	0	1
MIR3148	0	0	0	1
MIR548O2	0	0	0	1
TEX15	0	0	0	1
DUSP26	0	0	0	1
GOT1L1	0	0	0	1
ADRB3	0	0	0	1
ADAM3A	0	0	0	1
ADAM2	0	0	0	1
ZMAT4	0	0	0	1
NKX6-3	0	0	0	1
MIR486	0	0	0	1
CHRNA6	0	0	0	1
EFCAB1	0	0	0	1
FAM150A	0	0	0	1
SBF1P1	0	0	0	1
SNORD54	0	0	0	1
MOS	0	0	0	1
SDR16C5	0	0	0	1

PENK	0	0	0	1
LOC100507632	0	0	0	1
CYP7A1	0	0	0	1
TOX	0	0	0	1
CA8	0	0	0	1
LOC100130298	0	0	0	1
LOC401463	0	0	0	1
CYP7B1	0	0	0	1
LINC00251	0	0	0	1
LOC286186	0	0.00428847	inf	1
CRH	0	0	0	1
PTTG3P	0	0	0	1
SNORD87	0	0	0	1
TCF24	0	0	0	1
PPP1R42	0	0	0	1
CPA6	0	0	0	1
LOC286189	0	0	0	1
PRDM14	0	0	0	1
EYA1	0	0.00463079	inf	1
MSC	0	0	0	1
TRPA1	0	0	0	1
LOC392232	0	0	0	1
MIR5681B	0	0	0	1
ZFHX4-AS1	0	0	0	1
PMP2	0	0	0	1
FABP9	0	0	0	1
FABP4	0	0	0	1
FABP12	0	0	0	1
CA1	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L1	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L1	0	0.00318086	inf	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
PSKH2	0	0	0	1
SLC7A13	0	0	0	1
CNGB3	0	0	0	1
MMP16	0	0	0	1
CALB1	0	0.00365368	inf	1
FLJ46284	0	0	0	1
C8orf87	0	0	0	1
MIR378D2	0	0	0	1
CDH17	0	0.00269832	inf	1
LOC100288748	0	0.00605537	inf	1
MIR3150B	0	0	0	1
C8orf69	0	0	0	1
LOC100500773	0	0	0	1
TSPYL5	0	0	0	1
MIR599	0	0	0	1
MIR875	0	0	0	1
RGS22	0	0	0	1
NCALD	0	0	0	1
DPYS	0	0.00503925	inf	1
ANGPT1	0	0	0	1
RSPO2	0	0	0	1
KCNV1	0	0	0	1
CSMD3	0	0	0	1
LINC00536	0	0	0	1
TNFRSF11B	0	0	0	1
MIR4663	0	0	0	1
ANXA13	0	0	0	1
FER1L6-AS1	0	0	0	1
LOC727677	0	0	0	1
LOC728724	0	0	0	1
GSDMC	0	0	0	1
MIR5194	0	0	0	1
ADCY8	0	0	0	1
OC90	0	0	0	1
HHLA1	0	0	0	1
SLA	0	0	0	1
MIR30B	0	0	0	1
MIR30D	0	0	0	1
FAM135B	0	0	0	1
COL22A1	0	0	0	1
GPR20	0	0	0	1
MROH5	0	0	0	1

SLURP1	0	0	0	1
LYPD2	0	0	0	1
LY6D	0	0	0	1
CYP11B1	0	0	0	1
CYP11B2	0	0	0	1
LY6H	0	0	0	1
CCDC166	0	0	0	1
MIR4664	0	0	0	1
MIR661	0	0	0	1
MIR1234	0	0	0	1
DDX11L5	0	0.0072231 inf	0	1
DMRT3	0	0	0	1
GLIS3-AS1	0	0	0	1
MIR101-2	0	0	0	1
INSL4	0	0	0	1
PDCCD1LG2	0	0	0	1
MIR4665	0	0	0	1
IL33	0	0	0	1
TPD52L3	0	0	0	1
LINC00583	0	0	0	1
LOC389705	0	0	0	1
MIR3152	0	0	0	1
MIR491	0	0	0	1
IFNA1	0	0	0	1
C9orf53	0	0	0	1
DMRTA1	0	0	0	1
FLJ35282	0	0	0	1
IFNK	0	0	0	1
TMEM215	0	0	0	1
SPINK4	0	0.0476181 inf	0	1
SNORD121B	0	0	0	1
LOC415056	0	0	0	1
MIR4667	0	0	0	1
GLIPR2	0	0.00510955 inf	0	1
CCIN	0	0.0055233 inf	0	1
SPATA31A2	0	0	0	1
SPATA31A2	0	0	0	1
FAM74A1	0	0	0	1
SPATA31A3	0	0	0	1
FAM74A3	0	0	0	1
SPATA31A5	0	0	0	1
LOC643648	0	0	0	1
FAM95B1	0	0	0	1
FOXD4L4	0	0	0	1
CNTNAP3B	0	0	0	1
LOC643648	0	0	0	1
LOC643648	0	0	0	1
ANKRD20A4	0	0	0	1
C9orf135	0	0	0	1
TMC1	0	0	0	1
RORB	0	0	0	1
PCA3	0	0	0	1
FOXB2	0	0	0	1
SPATA31D5P	0	0	0	1
SPATA31D4	0	0	0	1
SPATA31D3	0	0	0	1
SPATA31D1	0	0	0	1
C9orf170	0	0	0	1
CTSL3P	0	0	0	1
CTSL1P8	0	0	0	1
SPATA31E1	0	0	0	1
SPATA31C1	0	0	0	1
MIR3153	0	0	0	1
UNQ6494	0	0	0	1
MIR3910-1	0	0	0	1
LINC00475	0	0	0	1
SUSD3	0	0	0	1
MIR4291	0	0	0	1
MIRLET7A1	0	0	0	1
MIRLET7F1	0	0	0	1
MIRLET7D	0	0	0	1
MIR2278	0	0	0	1
MIR27B	0	0	0	1
MIR24-1	0	0	0	1
LOC441455	0	0	0	1
FOXE1	0	0	0	1
COL15A1	0	0.00185987 inf	0	1
LPPR1	0	0	0	1
CYLC2	0	0	0	1

OR13F1	0	0	0	1
OR13C8	0	0	0	1
OR13D1	0	0	0	1
MUSK	0	0	0	1
MIR4668	0	0	0	1
MIR455	0	0	0	1
DEC1	0	0	0	1
LOC100128505	0	0	0	1
TLR4	0	0	0	1
OR1J2	0	0	0	1
OR1J4	0	0	0	1
OR1N2	0	0	0	1
OR1Q1	0	0	0	1
OR1L1	0	0	0	1
OR1L3	0	0	0	1
OR1L4	0	0	0	1
OR5C1	0	0	0	1
OR1K1	0	0	0	1
GPR21	0	0.0162361	inf	1
LHX2	0	0	0	1
GPR144	0	0	0	1
MIR181A2HG	0	0	0	1
MIR181A2	0	0	0	1
MIR181B2	0	0	0	1
MIR2861_MIR3960	0	0	0	1
MIR2964A	0	0	0	1
C9orf106	0	0	0	1
PRRX2	0	0	0	1
SNORD62A	0	0	0	1
SNORD62B	0	0	0	1
CELP	0	0.0167191	inf	1
SNORD24	0	0	0	1
SNORD36B	0	0	0	1
SNORD36C	0	0	0	1
ADAMTSL2	0	0	0	1
DBH	0	0	0	1
MIR4669	0	0	0	1
FCN2	0	0	0	1
OLFM1	0	0	0	1
LOC401557	0	0	0	1
C9orf62	0	0	0	1
OBP2A	0	0	0	1
LCN9	0	0	0	1
MIR126	0	0	0	1
MIR4292	0	0	0	1
MIR4479	0	0	0	1
PTGDS	0	0.0206763	inf	1
LCNL1	0	0	0	1
MIR602	0	0	0	1
FAM157B	0	0	0	1
FAM138C	0	0	0	1
INSL6	0	0	0	1
PTPRD	0	0	0	1
MPDZ	0	0	0	1
CER1	0	0	0	1
FREM1	0	0	0	1
MIR4473	0	0	0	1
MIR4474	0	0	0	1
IFNB1	0	0	0	1
IFNW1	0	0.00693479	inf	1
IFNA21	0	0	0	1
IFNA4	0	0	0	1
IFNA7	0	0	0	1
IFNA10	0	0	0	1
IFNA16	0	0	0	1
IFNA14	0	0	0	1
IFNA22P	0	0	0	1
IFNA5	0	0.0147095	inf	1
IFNA6	0	0	0	1
IFNA13	0	0	0	1
IFNA2	0	0	0	1
MIR31	0	0	0	1
ELAVL2	0	0	0	1
IZUMO3	0	0	0	1
LINGO2	0	0	0	1
MIR876	0	0	0	1
MIR873	0	0	0	1
LOC401497	0	0	0	1
TAF1L	0	0	0	1

AQP7	0	0	0	1
SUGT1P1	0	0	0	1
SNORD121A	0	0	0	1
CCL27	0	0	0	1
CCL19	0	0	0	1
CCL21	0	0	0	1
FAM205A	0	0	0	1
FAM205B	0	0	0	1
SIT1	0	0	0	1
FAM221B	0	0	0	1
OR2S2	0	0	0	1
MIR4475	0	0	0	1
PAX5	0	0	0	1
MIR4540	0	0	0	1
MIR4476	0	0	0	1
IGFBPL1	0	0.00307444	inf	1
CNTNAP3	0	0	0	1
SPATA31A4	0	0	0	1
LOC653501,ZNF658B	0	0	0	1
FAM95B1	0	0	0	1
ANKRD20A2,ANKRD20A3	0	0	0	1
LOC642929	0	0	0	1
SPATA31A6	0	0	0	1
FAM74A2,FAM74A4	0	0	0	1
SPATA31A5	0	0	0	1
LOC286297	0	0	0	1
FAM27B	0	0	0	1
FOXDL4	0	0.00543419	inf	1
TMEM252	0	0	0	1
PRKACG	0	0	0	1
BANCR	0	0	0	1
APBA1	0	0	0	1
LOC494558	0	0	0	1
TRPM3	0	0	0	1
MIR204	0	0	0	1
C9orf57	0	0	0	1
MIR548H3	0	0	0	1
VPS13A-AS1	0	0	0	1
GNA14	0	0	0	1
RASEF	0	0	0	1
MIR7-1	0	4.76396	inf	1
LOC494127	0	0	0	1
SPATA31C2	0	0	0	1
LOC286238	0	0	0	1
MIR4289	0	0	0	1
LOC286370	0	0	0	1
MIR4290	0	0	0	1
LOC340515	0	0	0	1
DIRAS2	0	0	0	1
LOC100129316	0	0	0	1
MIR3910-2	0	0	0	1
ROR2	0	0	0	1
OGN	0	0.00247254	inf	1
OMD	0	0	0	1
MIR4670	0	0	0	1
BARX1	0	0	0	1
FAM22F	0	0	0	1
FBP1	0	0	0	1
MIR3074	0	0	0	1
LINC00092	0	0.0229663	inf	1
LOC158434	0	0	0	1
LOC340508	0	0.0169352	inf	1
LOC286359	0	0	0	1
HEMGN	0	0	0	1
PPP3R2	0	0	0	1
OR13C4	0	0	0	1
OR13C3	0	0	0	1
OR13C5	0	0	0	1
OR13C2	0	0	0	1
OR13C9	0	0	0	1
MIR548Q	0	0	0	1
MIR32	0	0	0	1
FRRS1L	0	0	0	1
TXNDC8	0	0	0	1
SVEP1	0	0	0	1
LPAR1	0	0	0	1
OR2K2	0	0	0	1
LRRC37A5P	0	0	0	1
AMBIP	0	0.00899592	inf	1

LOC100505478	0	0	0	1
TNFSF8	0	0	0	1
TNC	0	0	0	1
LINC00474	0	0	0	1
SNORA70C	0	0	0	1
DBC1	0	0	0	1
MIR147A	0	0	0	1
MIR4478	0	0	0	1
LHX6	0	0	0	1
OR1J1	0	0	0	1
OR1N1	0	0	0	1
OR1L8	0	0	0	1
OR1B1	0	0	0	1
SNORD90	0	0	0	1
MIR601	0	0	0	1
ANGPTL2	0	0.00297672	inf	1
MIR4672	0	0	0	1
MIR199B	0	0	0	1
MIR3154	0	0	0	1
MIR219-2	0	0	0	1
GBGT1	0	0	0	1
OBP2B	0	0	0	1
TMEM8C	0	0	0	1
FAM163B	0	0	0	1
MIR3689A,MIR3689E	0	0	0	1
MIR3689C	0	0	0	1
MIR3689D1	0	0	0	1
MIR3689B	0	0	0	1
MIR3689D2	0	0	0	1
MIR3689F	0	0	0	1
FCN1	0	0	0	1
GLT6D1	0	0	0	1
SOHLH1	0	0.0119742	inf	1
MIR4673	0	0	0	1
MIR4674	0	0	0	1
LCN6	0	0	0	1
LCN8	0	0	0	1
MIR3621	0	0	0	1
LINC00685	0	0	0	1
SHOX	0	0	0	1
CSF2RA	0	0	0	1
MIR3690	0	0	0	1
IL3RA	0	0	0	1
ASMTL-AS1	0	0	0	1
AKAP17A,ASMT	0	0	0	1
CD99P1	0	0	0	1
CD99	0	0	0	1
GYG2	0	0	0	1
ARSH	0	0	0	1
ARSF	0	0	0	1
MIR4767	0	0	0	1
VCX	0	0	0	1
MIR651	0	0	0	1
CLCN4	0	0	0	1
AMELX	0	0	0	1
FRMPD4	0	0	0	1
TLR7	0	0	0	1
TLR8	0	0	0	1
LOC100093698	0	0	0	1
LOC100133123	0	0	0	1
EGFL6	0	0	0	1
GLRA2	0	0.0120848	inf	1
BMX	0	0	0	1
S100G	0	0	0	1
MIR4768	0	0	0	1
CNKSR2	0	0	0	1
ZNF645	0	0	0	1
DDX53	0	0	0	1
SUPT20HL1	0	0	0	1
MAGEB18	0	0	0	1
MAGEB5	0	0	0	1
VENTXP1	0	0	0	1
DCAF8L2	0	0	0	1
MAGEB10	0	0	0	1
IL1RAPL1	0	0	0	1
MAGEB3	0	0	0	1
MAGEB1,MAGEB4	0	0	0	1
FAM47B	0	0	0	1
MAGEB16	0	0	0	1

FAM47C	0	0	0	1
CXorf27	0	0	0	1
SYTL5	0	0	0	1
NYX	0	0	0	1
DUSP21	0	0	0	1
ZNF157	0	0	0	1
SNORA11C	0	0	0	1
MIR4769	0	0	0	1
CXXC1P1	0	0	0	1
SPACA5,SPACA5B	0	0	0	1
SSX6	0	0	0	1
SPACA5,SPACA5B	0	0	0	1
SSX1	0	0	0	1
SSX4B	0	0	0	1
GLOD5	0	0	0	1
GATA1	0	0	0	1
GAGE10	0	0	0	1
GAGE12J	0	0	0	1
GAGE12D	0	0	0	1
GAGE12D,GAGE12F	0	0	0	1
GAGE12D,GAGE12F	0	0	0	1
GAGE12D	0	0	0	1
GAGE2A	0	0	0	1
GAGE1	0	0	0	1
MIR532	0	0	0	1
MIR188	0	0	0	1
MIR500A	0	0	0	1
MIR362	0	0	0	1
MIR501	0	0	0	1
MIR500B	0	0	0	1
MIR660	0	0	0	1
MIR502	0	0	0	1
BMP15	0	0	0	1
NUDT10	0	0	0	1
CENPVP2	0	0	0	1
MAGED4	0	0	0	1
XAGE2,XAGE2B	0	0	0	1
XAGE1C,XAGE1E	0	0	0	1
XAGE1B,XAGE1C	0	0	0	1
SSX8	0	0	0	1
SSX2,SSX2B	0	0	0	1
XAGE5	0	0	0	1
FAM156A,FAM156B	0	0	0	1
GPR173	0	0.00229762	inf	1
SNORA11	0	0	0	1
PAGE2	0	0	0	1
PAGE5	0	0	0	1
MIR4536-1	0	0	0	1
MAGEH1	0	0	0	1
FOXR2	0	0	0	1
KLF8	0	0.00216719	inf	1
MIR223	0	0	0	1
AR	0	0	0	1
FAM155B	0	0	0	1
EDA	0	0	0	1
MIR676	0	0	0	1
AWAT1	0	0	0	1
ARR3	0	0.00826174	inf	1
GJB1	0	0	0	1
FLJ46446	0	0	0	1
CXorf49B	0	0	0	1
NHSL2	0	0.00306829	inf	1
FLJ44635	0	0	0	1
DMRTC1B	0	0	0	1
LINC00684	0	0	0	1
PABPC1L2B	0	0	0	1
CDX4	0	0	0	1
MIR374C	0	0	0	1
ZCCHC13	0	0	0	1
MAGEE1	0	0	0	1
FGF16	0	0	0	1
LPAR4	0	0	0	1
P2RY10	0	0	0	1
GPR174	0	0	0	1
TBX22	0	0	0	1
FAM46D	0	0	0	1
POU3F4	0	0	0	1
CYLC1	0	0	0	1
UBE2DNL	0	0	0	1

DACH2	0	0	0	1
KLHL4	0	0	0	1
CPXCR1	0	0.00454763	inf	1
TGIF2LX	0	0	0	1
PABPC5	0	0	0	1
PCDH11X	0	0.00394324	inf	1
FAM133A	0	0	0	1
TNMD	0	0	0	1
NXF2B	0	0	0	1
NXF4	0	0	0	1
TCEAL7	0	0	0	1
TMEM31	0	0.0265157	inf	1
PLP1	0	0	0	1
TMSB15B	0	0	0	1
H2BFXP	0	0	0	1
H2BFM	0	0	0	1
ZCCHC18	0	0	0	1
IL1RAPL2	0	0	0	1
NRK	0	0	0	1
MUM1L1	0	0	0	1
RNF128	0	0	0	1
PIH1D3	0	0	0	1
COL4A5	0	0	0	1
MIR3978	0	0	0	1
TDGF1P3	0	0	0	1
PAK3	0	0	0	1
DKFZp686D0853	0	0	0	1
TRPC5OS	0	0	0	1
ZCCHC16	0	0.00279421	inf	1
HTR2C	0	0	0	1
SNORA35	0	0	0	1
MIR764	0	0	0	1
MIR1912	0	0	0	1
MIR1264	0	0	0	1
MIR1298	0	0	0	1
MIR1911	0	0	0	1
MIR448	0	0	0	1
RBMXL3	0	0	0	1
SLC6A14	0	0	0	1
MIR1277	0	0	0	1
RHOXF2B	0	0	0	1
ATP1B4	0	0	0	1
SH2D1A	0	0	0	1
LOC100129520	0	0	0	1
CXorf64	0	0	0	1
XPNPEP2	0	0.0034196	inf	1
SASH3	0	0.00916581	inf	1
ARHGAP36	0	0	0	1
OR13H1	0	0	0	1
HS6ST2-AS1	0	0	0	1
CCDC160	0	0.00695172	inf	1
SMIM10	0	0	0	1
FAM127A	0	0	0	1
LINC00086	0	0	0	1
CT45A1	0	0	0	1
CT45A2,CT45A3,CT45A4	0	0	0	1
SAGE1	0	0	0	1
GPR112	0	0	0	1
BRS3	0	0	0	1
VGLL1	0	0	0	1
MIR934	0	0	0	1
LOC100128420	0	0	0	1
ZIC3	0	0	0	1
FGF13-AS1	0	0	0	1
SRD5A1P1	0	0	0	1
F9	0	0	0	1
LOC389895	0	0	0	1
RP1-177G6.2	0	0	0	1
SPANXB2	0	0	0	1
SPANXB1	0	0	0	1
SPANXA2-OT1	0	0	0	1
SPANXA2	0	0	0	1
MAGEC3	0	0	0	1
MAGEC1	0	0	0	1
SPANXN4	0	0	0	1
UBE2NL	0	0.00758394	inf	1
SPANXN1	0	0	0	1
TMEM257	0	0	0	1
CXorf51B	0	0	0	1

AFF2	0	0	0	1
MAGEA11	0	0	0	1
HSFX2	0	0	0	1
MAGEA9B	0	0	0	1
MAGEA8	0	0	0	1
MIR2114	0	0	0	1
MIR4330	0	0	0	1
GPR50	0	0.00783738	inf	1
PASD1	0	0	0	1
PRRG3	0	0	0	1
FATE1	0	0	0	1
CNGA2	0	0	0	1
GABRQ	0	0	0	1
MAGEA6	0	0	0	1
MAGEA2,MAGEA2B	0	0	0	1
CSAG2,CSAG3	0	0	0	1
PNMA3	0	0	0	1
PNMA6C,PNMA6D	0	0	0	1
ZFP92	0	0	0	1
BGN	0	0	0	1
MIR3202-1	0	0	0	1
OPN1LW	0	0	0	1
OPN1MW	0	0	0	1
OPN1MW	0	0	0	1
FAM223B	0	0	0	1
CTAG1B	0	0	0	1
SNORA56	0	0	0	1
H2AFB1	0	0	0	1
H2AFB3	0	0	0	1
F8A1	0	0	0	1
MIR1184-3	0	0	0	1
TMLHE-AS1	0	0.00498618	inf	1
SPRY3	0	0	0	1
VAMP7	0	0	0	1
IL9R	0	0	0	1
GTBPB6	0	0	0	1
PPP2R3B	0	0	0	1
CRLF2	0	0	0	1
SLC25A6	0	0	0	1
ASMTL	0	0	0	1
P2RY8	0	0	0	1
DHRX,ZBED1	0	0	0	1
ARSE	0	0	0	1
MXRA5	0	0	0	1
NLGN4X	0	0	0	1
MIR4770	0	0	0	1
VCX3A	0	0	0	1
VCX2	0	0	0	1
KAL1	0	0	0	1
FAM9A	0	0	0	1
FAM9B	0	0	0	1
ARHGAP6	0	0	0	1
TLR8-AS1	0	0	0	1
FAM9C	0	0	0	1
ATXN3L	0	0	0	1
ASB9	0	0	0	1
ASB11	0	0	0	1
RAI2	0	0	0	1
BEND2	0	0	0	1
SCML2	0	0	0	1
LOC729609	0	0	0	1
MIR23C	0	0	0	1
KLHL34	0	0	0	1
SMPX	0	0	0	1
PHEX-AS1	0	0	0	1
LOC100873065	0	0	0	1
SUPT20HL2	0	0	0	1
SMEK3P	0	0	0	1
DCAF8L1	0	0	0	1
NR0B1	0	0	0	1
CXorf21	0	0	0	1
FTHL17	0	0	0	1
DMD	0	0	0	1
FAM47A	0	0	0	1
TMEM47	0	0	0	1
LOC286442	0	0	0	1
LOC100132831	0	0	0	1
PPP1R2P9	0	0	0	1
MAOB	0	0	0	1

NDP	0	0	0	1
EFHC2	0	0	0	1
MIR222	0	0	0	1
SSX9	0	0	0	1
SSX3	0	0	0	1
SSX4B	0	0	0	1
CACNA1F	0	0	0	1
PAGE1	0	0	0	1
AKAP4	0	0	0	1
DGKK	0	0	0	1
NUDT11	0	0	0	1
CENPVP2	0	0	0	1
MAGED4,MAGED4B	0	0	0	1
SNORA11D	0	0	0	1
SNORA11E	0	0	0	1
XAGE1B,XAGE1D	0	0	0	1
XAGE2,XAGE2B	0	0	0	1
XAGE1C	0	0	0	1
XAGE1A,XAGE1C	0	0	0	1
SSX7	0	0	0	1
SSX2	0	0	0	1
SPANXN5	0	0	0	1
XAGE3	0	0	0	1
MIR98	0	0	0	1
MIRLET7F2	0	0	0	1
ALAS2	0	0	0	1
PAGE3	0	0	0	1
USP51	0	0	0	1
ZXDA	0	0	0	1
MIR1468	0	0	0	1
ASB12	0	0	0	1
MTMR8	0	0	0	1
FRMD8P1	0	0	0	1
VSIG4	0	0	0	1
SLC7A3	0	0	0	1
CXorf65	0	0	0	1
CXorf49B	0	0	0	1
RGAG4	0	0	0	1
LINC00684	0	0	0	1
DMRTC1B	0	0	0	1
PABPC1L2A	0	0	0	1
NAP1L2	0	0	0	1
MIR421	0	0	0	1
MIR374B	0	0	0	1
MIR545	0	0	0	1
MIR374A	0	0	0	1
KIAA2022	0	0	0	1
MAGEE2	0	0	0	1
MIR384	0	0	0	1
CYSLTR1	0	0	0	1
ZCCHC5	0	0	0	1
MIR4328	0	0	0	1
ITM2A	0	0	0	1
RPS6KA6	0	0	0	1
HDX	0	0	0	1
NAP1L3	0	0	0	1
LOC643486	0	0	0	1
LOC442459	0	0	0	1
PCDH19	0	0.00789194 inf	0	1
NXF5	0	0	0	1
NXF2	0	0	0	1
TMSB15A	0	0	0	1
BEX1	0	0	0	1
NXF3	0	0.00450277 inf	0	1
BEX2	0	0	0	1
GLRA4	0	0	0	1
H2BFWT	0	0	0	1
H2BFXP	0	0	0	1
ESX1	0	0	0	1
TEX13A	0	0	0	1
SERPINA7	0	0	0	1
NUP62CL	0	0	0	1
IRS4	0	0	0	1
GUCY2F	0	0.00568354 inf	0	1
SNORD96B	0	0	0	1
DCX	0	0	0	1
RNU6-28	0	0	0	1
TRPC5	0	0.00161987 inf	0	1
LHFPL1	0	0	0	1

MIR4329	0	0	0	1
LRCH2	0	0	0	1
CXorf61	0	0	0	1
KLHL13	0	0	0	1
KIAA1210	0	0.00115644	inf	1
MIR766	0	0	0	1
SNORA69	0	0	0	1
RHOXF2B	0	0	0	1
RHOXF1	0	0	0	1
CT47B1	0	0	0	1
CT47A1,CT47A4	0	0	0	1
CT47A8	0	0	0	1
CT47A11	0	0	0	1
CT47A5	0	0	0	1
CT47A3	0	0	0	1
CT47A7	0	0	0	1
CT47A1,CT47A2,CT47A6	0	0	0	1
CT47A2	0	0	0	1
CT47A9	0	0	0	1
CT47A8	0	0	0	1
CT47A6	0	0	0	1
TENM1	0	0	0	1
DCAF12L2	0	0	0	1
DCAF12L1	0	0	0	1
ACTRT1	0	0	0	1
GPR119	0	0	0	1
IGSF1	0	0	0	1
FRMD7	0	0	0	1
HS6ST2	0	0	0	1
USP26	0	0	0	1
TFDP3	0	0	0	1
GPC3	0	0	0	1
MIR363	0	0	0	1
MIR92A2	0	0	0	1
MIR19B2	0	0	0	1
MIR20B	0	0	0	1
MIR18B	0	0	0	1
MIR106A	0	0	0	1
MIR450B	0	0	0	1
MIR450A1	0	0	0	1
MIR450A2	0	0	0	1
MIR542	0	0	0	1
MGC16121,MIR424	0	0	0	1
MIR503	0	0	0	1
FAM127C	0	0	0	1
FAM127B	0	0	0	1
LINC00087	0	0	0	1
LINC00633	0	0	0	1
CT45A4	0	0	0	1
CT45A6	0	0	0	1
SNORD61	0	0	0	1
GPR101	0	0	0	1
LOC158696	0	0	0	1
MIR504	0	0	0	1
MIR505	0	0	0	1
CXorf66	0	0	0	1
SOX3	0	0	0	1
CDR1	0	0	0	1
MIR320D2	0	0	0	1
LDOC1	0	0	0	1
SPANXC	0	0	0	1
SPANXA2	0	0	0	1
SPANXE	0	0	0	1
MAGEC2	0	0	0	1
SPANXN3	0	0	0	1
SLITRK4	0	0	0	1
SPANXN2	0	0	0	1
MIR890	0	0	0	1
MIR888	0	0	0	1
MIR892A	0	0	0	1
MIR892B	0	0	0	1
MIR891B	0	0	0	1
MIR891A	0	0	0	1
CXorf51A	0	0	0	1
MIR506	0	0	0	1
MIR507	0	0	0	1
MIR508	0	0	0	1
MIR514B	0	0	0	1
MIR509-1	0	0	0	1

MIR509-3	0	0	0	1
MIR509-1	0	0	0	1
MIR510	0	0	0	1
MIR514A1	0	0	0	1
MIR514A2	0	0	0	1
MIR514A3	0	0	0	1
MAGEA9B	0	0	0	1
HSFX2	0	0	0	1
GABRE	0	0	0	1
MIR452	0	0	0	1
MAGEA10,MAGEA10-MAGE	0	0	0	1
GABRA3	0	0	0	1
MIR105-1	0	0	0	1
MIR767	0	0	0	1
MIR105-2	0	0	0	1
CSAG2,CSAG3	0	0	0	1
MAGEA2,MAGEA2B	0	0	0	1
MAGEA3	0	0	0	1
PNMA5	0	0	0	1
PNMA6D	0	0	0	1
MAGEA1	0	0	0	1
PDZD4	0	0.00424168	inf	1
MIR3202-2	0	0	0	1
MIR718	0	0	0	1
TEX28	0	0	0	1
CTAG1A	0	0	0	1
CTAG2	0	0	0	1
MPP1	0	0.00547886	inf	1
MIR1184-1	0	0	0	1
MIR1184-3	0	0	0	1
H2AFB3	0	0	0	1
LINC00685	0	0	0	1
SHOX	0	0	0	1
CSF2RA	0	0	0	1
MIR3690	0	0	0	1
IL3RA	0	0	0	1
ASMTL-AS1	0	0	0	1
AKAP17A,ASMT	0	0	0	1
CD99P1	0	0	0	1
CD99	0	0	0	1
XGPY2	0	0	0	1
RPS4Y1	0	0	0	1
ZFY	0	0	0	1
LINC00278	0	0	0	1
TGIF2LY	0	0	0	1
TSPY2	0	0	0	1
TTY1B	0	0	0	1
TTY21	0	0	0	1
TTY7,TTY7E	0	0	0	1
TBL1Y	0	0	0	1
PRKY	0	0.00112506	inf	1
TTY12	0	0	0	1
TTY19	0	0	0	1
TSPY3,TSPY4,TSPY8	0	0	0	1
TSPY1	0	0	0	1
TTY8B	0	0	0	1
TTY2	0	0	0	1
TTY22	0	0	0	1
TTY23B	0	0	0	1
TTY15	0	0	0	1
USP9Y	0	0	0	1
DDX3Y	0	0	0	1
TMSB4Y	0	0	0	1
VCY	0	0	0	1
NLGN4Y	0	0	0	1
FAM41AY1	0	0	0	1
CDY2A,CDY2B	0	0	0	1
XKRY	0	0	0	1
FAM224A,FAM224B	0	0	0	1
HSFY1,HSFY2	0	0	0	1
TTY9A	0	0	0	1
TXLNG2P	0	0	0	1
EIF1AY	0	0	0	1
RPS4Y2	0	0	0	1
RBM1B	0	0	0	1
RBM1B	0	0	0	1
TTY6,TTY6E	0	0	0	1
RBM1F,RBM1J	0	0	0	1
PRY2	0	0	0	1

TTY17C	0	0	0	1
TTY4	0	0	0	1
BPY2	0	0	0	1
DAZ2,DAZ3,DAZ4	0	0	0	1
TTY17C	0	0	0	1
TTY4	0	0	0	1
BPY2	0	0	0	1
DAZ2,DAZ3,DAZ4	0	0	0	1
GOLGA2P2Y	0	0	0	1
CSPG4P1Y	0	0	0	1
CDY1	0	0	0	1
TTY3	0	0	0	1
SPRY3	0	0	0	1
VAMP7	0	0	0	1
IL9R	0	0	0	1
GTPBP6	0	0	0	1
PPP2R3B	0	0	0	1
CRLF2	0	0	0	1
SLC25A6	0	0	0	1
ASMTL	0	0	0	1
P2RY8	0	0	0	1
DHRX,ZBED1	0	0	0	1
SRY	0	0	0	1
TTY23B	0	0	0	1
TTY2	0	0	0	1
TTY8B	0	0	0	1
AMELY	0	0	0	1
TTY16	0	0	0	1
TTY18	0	0	0	1
TTY11	0	0	0	1
RBM1A3P	0	0	0	1
TTY20	0	0	0	1
FAM197Y5	0	0	0	1
FAM197Y5	0	0	0	1
FAM197Y2	0	0	0	1
FAM197Y2	0	0	0	1
FAM197Y2	0	0	0	1
RBM1A3P	0	0	0	1
TTY7,TTY7E	0	0	0	1
TTY21	0	0	0	1
TTY1B	0	0	0	1
VCY	0	0	0	1
NLGN4Y-AS1	0	0	0	1
FAM224A,FAM224B	0	0	0	1
XKRY2	0	0	0	1
CDY2A,CDY2B	0	0	0	1
FAM41AY2	0	0	0	1
TTY9B	0	0	0	1
HSFY1,HSFY2	0	0	0	1
NCRNA00185	0	0	0	1
TTY14	0	0	0	1
BCORP1	0	0	0	1
KDM5D	0	0	0	1
TTY10	0	0	0	1
RBM1A2EP	0	0	0	1
TTY13	0	0	0	1
RBM1A	0	0	0	1
RBM1A	0	0	0	1
PRY	0	0	0	1
RBM1A	0	0	0	1
TTY5	0	0	0	1
TTY6,TTY6E	0	0	0	1
DAZ1,DAZ4	0	0	0	1
TTY3B	0	0	0	1
CDY1	0	0	0	1
CSPG4P1Y	0	0	0	1
GOLGA2P2Y	0	0	0	1
DAZ3,DAZ4	0	0	0	1
BPY2C	0	0	0	1
TTY4B	0	0	0	1
TTY17B	0	0	0	1
HUS1	5.5901	4.56258	-0.293024	0.593222
METAP1	30.0961	27.7554	-0.116809	0.904448
ARHGAP17	10.0954	12.0635	0.256948	0.58321
VAPA	15.7915	15.5715	-0.0202459	0.991767
ZDHHC16	26.7393	29.1066	0.122382	0.899883
CAND1	15.767	19.9775	0.34147	0.326632
FYCO1	2.77665	2.63054	-0.0779855	0.959465
SHISA5	99.5701	86.7656	-0.198591	0.725353

ZBTB48	10.2126	13.3176	0.382986	0.319517
HSBP1	57.225	78.4789	0.455659	0.116542
HERC2	2.69304	3.23664	0.26526	0.551266
C8orf82.LRRC24	88.1944	87.9741	-0.0036084	0.998564
CCSER2	1.61633	0.936653	-0.787138	0.00509212
SLC38A6	4.10204	2.78225	-0.560093	0.186614
SPHK1	221.937	336.073	0.59862	0.0167292
E2F7	3.24977	3.44464	0.0840135	0.954768
LONP2	13.3462	9.34934	-0.513497	0.12522
MYO5A	2.07569	2.2577	0.121261	0.904574
IP6K1	8.76134	12.6948	0.535014	0.0566185
AGFG2	1.79113	3.08636	0.785033	0.021138
IL17RC	16.4151	9.07238	-0.855467	0.00134142
FAM200A	3.44927	3.88231	0.170624	0.851892
NOS3	7.97494	6.0285	-0.403676	0.306818
RTN2	15.5967	15.5273	-0.00643911	0.997082
PPP2R5C	34.9524	25.2003	-0.471952	0.156302
PPP1R12C	19.7261	24.2991	0.300793	0.47235
COX17	108.669	140.222	0.367765	0.299254
CECR5	112.076	108.831	-0.0423885	0.979875
MED26	6.02776	6.25292	0.0529098	0.979701
ASB6	39.8653	73.4345	0.881323	0.009453
ELK1	30.1359	30.5589	0.0201073	0.992797
IFT88	0.836209	0.52953	-0.659151	0.211887
KIF5B	13.1221	18.6425	0.506601	0.0658487
PPAP2B	0.41048	0.559268	0.446228	0.609835
KIF2C	32.6489	27.1025	-0.268612	0.540505
WDR24	7.1709	7.37045	0.0396	0.986363
C21orf119	6.76733	8.41357	0.314131	0.688434
PPP2R1A	199.488	197.067	-0.0176156	0.993379
ZNF623	4.65222	3.138	-0.568072	0.0710419
CNTROB	13.5342	12.7288	-0.088517	0.944418
TLK2	4.22378	4.7629	0.173308	0.810615
NOB1	127.316	95.5201	-0.414536	0.171252
DCTD	58.1761	58.8087	0.0156028	0.99351
DOPEY1	0.288278	0.177878	-0.696572	1
ITFG3	22.492	14.5472	-0.628667	0.0150729
ARIH1	9.05043	8.72555	-0.0527409	0.975414
FGD5-AS1	11.0348	12.847	0.21937	0.898588
FBXO28	6.21475	5.96905	-0.058195	0.972989
COX11	21.4356	16.4048	-0.385893	0.340227
DCP2	1.98515	1.59652	-0.314316	0.46196
NONO	159.19	140.817	-0.176932	0.845726
BDP1	0.89722	1.34058	0.579323	0.0601893
BAG3	28.4514	66.1489	1.21722	0.00134142
IPO9	5.32795	5.31278	-0.00411365	0.997535
AURKA	24.5562	33.5027	0.448194	0.151774
SEC14L1	13.9205	13.7682	-0.0158695	0.994615
MYO9B	12.6927	16.6814	0.394246	0.197882
EMC6	149.071	189.196	0.343878	0.796141
CCDC77	2.93021	3.51602	0.262939	0.902188
P4HTM	15.4194	8.54604	-0.851421	0.00509212
ENTPD5	0.373627	0.255852	-0.54629	0.617807
CDC26	61.7725	87.7287	0.506083	0.0569429
RNF40	16.0868	21.9537	0.448588	0.293861
DCAF16	9.33747	9.03663	-0.0472473	0.979484
TMC7	1.08303	0.730429	-0.56826	0.227772
TAB3	1.91277	1.38184	-0.469074	0.200542
URB2	2.65577	5.29307	0.994977	0.00134142
ZNF140	7.15555	6.99429	-0.0328849	0.987693
COX7A2	300.131	330.349	0.138401	0.862445
MAP3K6	2.41354	2.75554	0.191187	0.856035
PFKP	84.2035	69.8655	-0.269298	0.519826
FAM168B	10.3095	10.6417	0.0457607	0.979701
MAST3	3.36811	5.21958	0.631996	0.0394523
HPCA	0.148014	0.210723	0.509608	1
SNX6	23.9402	20.6614	-0.212501	0.68317
MRPS24,URGCP,URGCP-W	302.705	347.013	0.197079	0.778996
CDC20	133.867	183.769	0.457085	0.128873
POLR3C	15.446	9.06957	-0.768123	0.00134142
DSG2	10.5378	6.07762	-0.793995	0.00134142
ARAP3	6.48578	6.12071	-0.0835817	0.950929
RPL23AP7	8.98525	9.09372	0.0173124	0.996079
LYRM2	3.97968	4.43053	0.154826	0.847596
ADPGK	19.1913	26.6257	0.472367	0.102638
HECA	4.57613	2.47549	-0.886414	0.00134142
PRRC1	6.97269	6.373	-0.129743	0.88709
PPP2R4	168.33	187.614	0.156482	0.830321
PIK3R1	0.992462	1.07708	0.118042	0.938194

GATAD2B	5.77903	4.06789	-0.506547	0.0786602
TOE1	10.7101	20.1821	0.914101	0.0183825
LOC100505687	3.91217	3.21807	-0.281773	0.715244
ZDHHC3	3.00406	4.47647	0.57545	0.0274653
SNX16	2.90319	1.79901	-0.690435	0.0459324
AKAP8	10.9061	15.0041	0.460221	0.116242
CDCA8	33.5806	37.9236	0.175468	0.778901
BIVM,BIVM-ERCC5,ERCC5	16.519	13.6224	-0.278152	0.56414
SLC39A4	40.6331	44.7373	0.138825	0.869333
RHOA	269.927	272.369	0.0129959	0.995302
FTO	1.7447	1.5679	-0.154138	0.895818
BIRC6	1.89482	2.03764	0.104835	0.922006
CCNL1	22.4106	18.7509	-0.257217	0.563034
RNF114	32.6279	22.7841	-0.518083	0.0562227
NT5DC1	9.45551	4.6283	-1.03067	0.00134142
DNAJC1	7.81479	6.16478	-0.342157	0.448078
MIEN1	104.051	128.364	0.302954	0.418251
LRRC42	28.4506	32.6835	0.200106	0.723506
NUBP2	98.5005	127.757	0.375201	0.240188
CYTH3	4.55783	4.8214	0.0811035	0.956711
LOC100131089	3.24198	1.8168	-0.835477	0.305979
IRAK1	141.558	163.748	0.210083	0.703025
MSX2	2.21739	2.18932	-0.018381	0.995302
GRHL1	1.0139	1.09487	0.110845	0.956373
NUDT17	1.60265	1.22146	-0.391854	0.954677
POU2F1	0.871216	0.612799	-0.507615	0.153355
MTHFR	0.943394	0.518747	-0.862829	0.491256
SIGLEC9	0.0646287	0	#NAME?	1
TCF20	4.46204	5.35057	0.261989	0.563967
NAGA	12.4338	8.75191	-0.506596	0.0778493
MRGBP	40.1274	43.2754	0.108958	0.915507
APOPT1	24.8974	24.1461	-0.0442088	0.98039
NEIL3	1.65108	1.40014	-0.237831	0.81526
SEMA4D	7.96724	7.92373	-0.00790014	0.997036
RHOG	62.4717	81.2175	0.378587	0.226489
HADHA	94.7684	82.7919	-0.194916	0.737796
CYFIP1	43.1669	38.7283	-0.156536	0.823658
KDM6A	2.31359	1.42304	-0.701155	0.0235476
BOP1	70.2377	146.672	1.06228	0.00134142
TAPBPL	1.78804	1.71294	-0.0619011	0.991614
THAP4	87.4186	117.04	0.420985	0.251149
PPM1K	2.38524	2.65657	0.155425	0.859648
NUCB2	11.6794	8.40887	-0.473979	0.137767
NBR1	21.551	5.91032	-1.86645	0.00134142
P2RX5,TAX1BP3	95.3809	165.272	0.793068	0.0189207
TIMM10B	8.88013	14.0195	0.658786	0.174555
CYC1	227.518	286.628	0.3332	0.355857
ZFYVE28	5.0231	4.14412	-0.277511	0.693347
C11orf63	0.540747	0.371723	-0.540726	0.581651
NUMB	10.7973	8.21048	-0.395129	0.227422
ABCA3	12.6422	14.0733	0.154712	0.830662
SMCR7L	9.88112	14.0466	0.507474	0.0710419
CAMTA2	18.9513	12.7818	-0.568202	0.0292254
AFG3L1P	4.52802	9.24702	1.03011	0.00134142
GOLGA8S	0.352813	0.278651	-0.340444	0.721048
MZF1	12.1018	9.8333	-0.299476	0.557803
DSTNP2	3.45771	2.65684	-0.380103	0.588926
THAP5	5.43994	5.3592	-0.0215736	0.991767
HDDC2	38.7618	40.5665	0.0656531	0.965515
ANKS1A	4.15834	5.0388	0.277071	0.558232
FLJ42393	0.0584037	0.0511278	-0.191952	1
BRD3	7.81665	7.24998	-0.108574	0.937765
FTH1P3	0.22032	0.271833	0.30312	1
UNKL	4.16012	5.74661	0.466086	0.739348
PPP4R1	9.13512	11.7693	0.365528	0.288804
SEPT7	19.4772	18.3916	-0.0827419	0.948821
CALM3	82.4942	109.207	0.404705	0.179646
TMEM52	41.9333	56.8229	0.438375	0.180428
SYNRG	3.08168	2.1985	-0.487196	0.129875
C22orf28	51.1829	48.8036	-0.0686716	0.96128
FDXACB1	1.60511	2.41184	0.587462	0.486456
COX4I1	488.176	490.974	0.00824605	0.997036
CAPN2	146.98	141.203	-0.0578524	0.972601
C6orf120	6.60607	5.99451	-0.14015	0.945946
NAGLU	19.7287	12.7959	-0.624617	0.0270114
SIK2	1.79262	1.20692	-0.570735	0.614283
KARS	77.3206	68.1775	-0.181557	0.769235
FAM108A1	106.337	114.815	0.11067	0.916337
UFC1	97.5471	121.782	0.320131	0.379322

RAB12	12.469	15.1322	0.279275	0.534096
EIF2AK1	29.918	24.9663	-0.261029	0.588607
INTS6	1.88317	1.96501	0.0613673	0.979701
MALT1	4.90472	3.35974	-0.54582	0.0685498
CHCHD4	16.6331	25.0947	0.593327	0.0297125
SNORA74B	1.94814	1.22787	-0.665933	0.967901
SGOL2	2.26775	3.26165	0.524343	0.102638
PTPRJ	3.94529	3.09899	-0.348335	0.465131
COPG1	38.9733	35.5344	-0.133269	0.872056
NXF1	26.1021	52.7412	1.01477	0.00134142
BCL7C	107.711	137.493	0.352199	0.291851
ANKRD40	10.1196	12.3616	0.288702	0.481533
TAB1	13.1264	12.2157	-0.103735	0.93038
SGK494	0.601386	0.63683	0.0826179	0.995528
LYPLA2	97.6099	135.167	0.469639	0.0983149
MANEA	1.38393	1.32001	-0.0682276	0.974762
TMCC1	1.00663	1.14829	0.189956	0.848565
SLC25A24	4.75281	2.97865	-0.674122	0.0231741
DCBLD2	2.98171	3.77465	0.340206	0.391936
SMARCD2	43.0052	48.0223	0.159193	0.826046
HNRNPA1	758.456	654.897	-0.211798	0.72301
PRPF8	38.4601	37.164	-0.0494573	0.977885
FAM83D	16.8609	24.1321	0.517272	0.068174
MGAT4B	104.197	104.049	-0.00205557	0.999416
L2HGDH	3.02219	2.72304	-0.150374	0.863873
TCEANC2	0.912222	0.958872	0.0719534	0.978196
GMPS	44.9187	34.9817	-0.360714	0.280427
ZSCAN12P1	0.779271	0.647723	-0.266747	0.796801
EIF3D	210.437	131.953	-0.673368	0.00818401
MOAP1	17.2355	15.8639	-0.119635	0.90314
MRPS16	36.8051	31.849	-0.208655	0.696169
FURIN	22.0081	26.4799	0.266864	0.517521
CDADC1	2.14253	1.58186	-0.43769	0.382171
MTPN	33.1741	37.813	0.188827	0.752957
ARL1	14.6912	16.5949	0.175786	0.782994
LCT	0.0215177	0.0194671	-0.144488	1
CCHCR1	9.44219	5.71159	-0.72523	0.0126858
ELFN1	1.87818	0.998651	-0.911286	0.0523239
VTA1	7.14123	7.1705	0.00590166	0.99714
ZDHHC9	14.5204	10.3704	-0.485606	0.0865352
PCNXL4	11.2893	4.84402	-1.22068	0.00134142
ZNF883	7.55434	6.40992	-0.236998	0.671358
TMEM126B	39.0306	45.876	0.233131	0.645533
ANKMY2	6.34681	5.55984	-0.190988	0.790283
CNTF_ZFP91	6.71416	7.75783	0.208446	0.706998
ADIPOR1	51.8618	48.6457	-0.0923594	0.935062
WTAP	36.4673	44.7228	0.294407	0.43457
SH3PXD2A	1.21463	1.67162	0.460724	0.183901
YLPM1	2.88774	3.15088	0.125813	0.900599
FZD3	1.36137	1.16776	-0.221312	0.71659
SQSTM1	213.17	108.196	-0.97836	0.00337323
B3GALT4	0.258045	0.250615	-0.0421467	1
NTSDC3	2.51815	3.38075	0.424981	0.208452
OSBPL10	8.13747	4.19308	-0.956571	0.00134142
GNAQ	0.889601	0.786279	-0.178119	0.923433
BTG1.LOC256021	16.4215	7.02189	-1.22565	0.00134142
HSF1	133.498	143.52	0.104439	0.950929
CLDN18	0.0402983	0.0513859	0.350652	1
KIFAP3	1.82879	1.41815	-0.366878	0.528722
CSNK2A2	47.6462	22.6206	-1.07472	0.00134142
NFKBIE	12.4208	23.4103	0.914383	0.00134142
LPPR2	17.8107	25.5177	0.518758	0.0757506
EMG1	34.8312	50.7431	0.542831	0.0477866
SMIM15	14.0597	15.2858	0.120629	0.89937
COMTD1	50.0381	42.7886	-0.2258	0.740134
C18orf54	1.23893	1.02822	-0.268938	0.688363
MRPL22	13.2043	13.0263	-0.0195784	0.992797
TMX4	6.67758	5.83577	-0.194404	0.793075
ARF6	19.589	21.1969	0.113815	0.908114
BEND3	1.26583	2.73357	1.11071	0.00134142
C1GALT1	3.89673	2.71459	-0.52153	0.0792619
CNEP1R1	5.69741	4.98851	-0.191696	0.81342
CDSN	0.102362	0.0848642	-0.270448	1
MICALL2	2.17467	2.59602	0.255504	0.798828
OSTC	76.2337	78.455	0.041437	0.980556
RFX5	14.4147	13.6472	-0.078937	0.953215
SUPT7L	9.84475	9.32826	-0.0777472	0.979701
ZNF638	4.77453	5.41998	0.182927	0.773641
RAB28	10.0196	9.84294	-0.0256673	0.990857

CCDC138	0.895666	0.909591	0.0222575	0.994615
NBPF1	0.994334	1.00149	0.0103485	0.997036
PET112	14.0045	11.9515	-0.228706	0.671358
MID2	1.25172	1.08853	-0.201534	0.809382
KIAA1217	2.29061	0.894907	-1.35592	0.00134142
DLEU2L	0.201029	0.38468	0.936255	0.747687
CDC42	80.477	89.6732	0.1561	0.830662
PM20D2	9.61742	10.1857	0.0828246	0.948088
PODXL2	50.7179	52.3176	0.0447997	0.979701
STRN3	4.72669	4.50958	-0.0678393	0.97067
FAM120B	3.18412	2.5249	-0.334667	0.516224
ZNF155	1.42863	1.30849	-0.126727	0.942519
MLLT1	27.7901	37.7369	0.441408	0.126498
ZBTB46	1.86281	2.19517	0.236852	0.958201
STARD13	1.3553	1.20861	-0.16526	0.877363
H2AFY2	17.5916	9.04493	-0.959704	0.109152
ZNF446	6.80368	2.72484	-1.32014	0.00134142
ZBTB43	3.91051	2.7963	-0.483838	0.126498
AP3S1	48.6754	42.8782	-0.182947	0.76531
KIAA1644	0.0325246	0.0184764	-0.815848	1
SLC25A51	3.08363	3.49475	0.180559	0.900484
PRRT4	11.2406	8.27656	-0.441614	0.247003
ASCC1	8.09744	5.02323	-0.68885	0.369215
PEX19	15.2703	11.812	-0.37047	0.266297
DBNDD2,SYS1	215.727	163.254	-0.402091	0.247219
PDE8B	0.214822	0.177267	-0.277213	1
KRT7	3.08597	3.11903	0.0153771	0.99634
TFB1M	6.36326	4.23628	-0.58697	0.0551188
STT3B	8.34309	6.55009	-0.349067	0.378002
CCDC97	17.0075	14.5282	-0.227314	0.657112
ROCK1	2.84083	3.00888	0.0829111	0.952905
LOC100130557	0.554209	0.603083	0.121927	0.990857
MAPK12	58.7727	76.4486	0.379343	0.232929
CERKL	0.0261223	0.0248164	-0.0739911	1
INSIG2	14.0245	4.20856	-1.73655	0.00134142
PCOLCE	16.4757	9.10251	-0.856001	0.00509212
SOBP	0.536528	1.11911	1.06063	0.00882987
FGFR1	22.2289	17.5392	-0.341851	0.315903
PPIL2	8.55302	9.55318	0.159546	0.886752
ANKRD13C	1.84429	1.39672	-0.401021	0.340882
CLTA	272.425	261.744	-0.0577009	0.973348
MYD88	13.7229	22.9898	0.744407	0.00243047
SMIM4	72.2363	107.86	0.578366	0.0562227
PNO1	13.0794	30.1753	1.20607	0.00134142
TADA3	65.7442	42.8635	-0.617114	0.342801
POMT1	23.2629	20.8333	-0.159141	0.950929
PYY2	1.05774	1.05014	-0.0104028	0.998514
ADAM22	0.483199	0.410856	-0.233983	0.811724
CTTNBP2NL	4.55563	3.95061	-0.205575	0.742065
MAFK	8.58153	11.015	0.360158	0.637163
NCOA7	3.68917	2.17729	-0.760761	0.0120701
RNF167	55.8492	45.4501	-0.297252	0.444143
PTPRU	12.7077	9.03579	-0.491978	0.0891066
VPS13D	0.824528	0.800646	-0.0424052	0.984003
LMTK3	0.646264	0.47099	-0.456426	0.632357
PIP5K1A	26.1942	23.7971	-0.138463	0.863467
HSD17B6	0.53305	0.208083	-1.35711	0.0786602
C20orf27	126.654	186.281	0.556582	0.0373672
S1PR2	5.65935	6.33253	0.162147	0.853057
PLP2	463.823	446.211	-0.0558483	0.974044
EHD1	25.9968	48.1634	0.889603	0.00134142
UBQLN4	27.6793	33.9008	0.292512	0.442319
KAT2A	36.7857	47.1033	0.35668	0.281587
JKAMP	15.2041	14.4794	-0.0704565	0.96103
PDS5A	7.58001	7.23809	-0.0665903	0.967457
SF3B1	32.955	29.743	-0.147947	0.845125
YIPF3	75.3449	63.3695	-0.249721	0.574725
CALM1	40.0584	68.6725	0.777625	0.00243047
POLR2J	117.528	126	0.100412	0.955354
SPA17	5.90635	4.97144	-0.248603	0.960084
RTKN2	0.210561	0.100907	-1.06121	1
BCDIN3D	2.2625	1.9178	-0.23846	0.78079
MFF	28.3032	19.5267	-0.535522	0.049309
ZNF101	2.69012	3.23607	0.266571	0.749348
GOLGA5	7.51765	6.14178	-0.291624	0.525374
OXSM	17.8114	13.4623	-0.403881	0.293988
CAND2	0.0929408	0.154421	0.732482	1
CLIP4	0.0174942	0	#NAME?	1
BSDC1	18.9343	15.6899	-0.271159	0.532218

ZNF800	3.01857	3.11563	0.0456582	0.980556
ATP6V1E1	52.184	54.732	0.0687768	0.963219
ABL1	34.8997	34.6975	-0.00838372	0.997036
C5orf45	50.5899	29.3726	-0.784377	0.845974
SDF2	21.0203	19.1409	-0.135127	0.882058
PLEKHH3	13.0916	11.8383	-0.145172	0.891905
NCKAP1	24.7883	19.1372	-0.373281	0.244643
DAAM1	0.538101	0.558576	0.0538754	0.98468
DNAJC5	13.4489	17.047	0.342036	0.305387
SUSD1	5.44866	5.32034	-0.0343827	0.99351
MGA	1.11326	1.59628	0.519925	0.0963541
SLC18A2	1.13106	1.35225	0.257689	0.757843
PBK	27.7121	25.3167	-0.130428	0.882845
MRPL11	41.2486	48.368	0.229708	0.631326
ELF4	8.78727	7.16571	-0.294305	0.48321
GLTP	38.4104	39.7712	0.050226	0.977332
PPP6C	18.0277	17.5902	-0.035447	0.985921
LRRRC57	4.01102	3.40524	-0.236216	0.754447
KIAA1033	2.19035	1.58027	-0.470995	0.18514
ABHD12	42.3584	43.8411	0.0496364	0.987627
SLC35F5	4.08992	2.67376	-0.613206	0.064193
WNK1	3.45438	4.02704	0.221295	0.67329
NINJ1	65.5215	59.131	-0.148054	0.845125
SETD7	6.66335	7.72046	0.212439	0.691839
FAM89A	25.1513	32.8892	0.386977	0.244595
UCK1	44.4047	57.0646	0.361884	0.508822
EDC4	15.7716	18.898	0.260899	0.539871
ABO	0.161997	0.0891576	-0.861542	1
FAM105B	2.2968	3.16146	0.460969	0.145048
EPHB4	35.0128	46.3143	0.403575	0.197427
RFC1	8.37171	5.61025	-0.577458	0.0326415
MRPL15	59.5455	68.5637	0.203453	0.711487
RNF115	7.237	5.3367	-0.439444	0.278399
TSPAN5	3.67628	2.04642	-0.84514	0.00882987
CBR1	48.5798	100.304	1.04596	0.00134142
PAX9	1.70822	2.25465	0.400411	0.485249
WLS	38.6989	23.0808	-0.745596	0.188729
NDUFB7	261.608	376.146	0.523883	0.0501327
PPP2R2A	18.4157	20.3161	0.141688	0.8561
LHX3	0.400158	0.349709	-0.194414	0.956807
MDC1	4.71606	4.10573	-0.199942	0.739331
FIGF,PIR	0.757448	0.39719	-0.931317	0.153355
CHFR	0.30735	0.0876616	-1.80986	1
TGM1	0.318545	0.358985	0.172428	0.955406
NSMCE1	75.3979	52.9513	-0.509857	0.0599768
MFSDB	1.17674	1.48748	0.338075	0.579748
SDR39U1	53.3144	47.5726	-0.164394	0.926258
MIS18BP1	2.66424	2.68353	0.0104081	0.996284
EDEM1	10.4071	6.8027	-0.613383	0.0150729
DOCK9	0.995075	1.03332	0.0544139	0.979824
TFCP2L1	0.998293	0.872306	-0.194628	0.830445
PFN1P2	0.387509	0.773162	0.99654	0.109497
FBL	552.908	650.496	0.234501	0.625
PI4K2A	15.2142	14.0685	-0.112946	0.909489
HMGNA4	49.5195	47.8563	-0.0492877	0.97798
TAZ	20.7275	11.5891	-0.838783	0.827718
DUSP14	35.8199	48.1352	0.426332	0.155605
PRPF4B	2.85794	4.92394	0.78484	0.00134142
PPFIA3	4.53005	6.64975	0.553774	0.0909525
PPP1CB	19.7099	14.1869	-0.474357	0.0875912
WAC-AS1	16.0036	20.6631	0.368664	0.253393
EFNA4	31.8604	31.0625	-0.0365888	0.996079
SLC41A1	12.3139	16.923	0.4587	0.115606
ZBTB1	3.97256	3.06304	-0.375105	0.331982
PLD6	13.8062	17.9515	0.378781	0.281781
TRUB1	4.07954	4.66531	0.193568	0.79263
KIF14	1.23714	1.34883	0.124698	0.919186
FAM149B1	1.47056	0.795433	-0.886557	0.0274653
UBE2Q1	21.2523	28.3681	0.416651	0.159812
ELOVL7	3.88085	3.25552	-0.253483	0.655465
SLC7A6OS	11.2816	18.3397	0.700996	0.236139
TMEM41A	9.04368	10.6697	0.238531	0.654969
ACOT2	8.93536	5.43795	-0.716461	0.0349222
PDIA4	74.264	85.2989	0.199863	0.730753
UBN1	5.22628	6.24969	0.258	0.575728
BCAP29	9.18639	9.56811	0.0587364	0.970195
MED4-AS1	3.65481	3.85361	0.0764171	0.995464
RBM15B	12.512	13.8579	0.1474	0.874417
ADORA2A	1.56712	1.73494	0.146775	0.942472

NLRC5	1.01957	1.39013	0.44727	0.330411
RNF122	3.72872	2.71421	-0.458151	0.387171
EPB41L4A	0.956657	1.26563	0.403777	0.443971
TMEM55A	8.61081	4.50758	-0.933794	0.00134142
HSDL2	15.9181	7.95607	-1.00054	0.00134142
GTF3C3	11.1191	6.9231	-0.683551	0.00593755
EPHX4	5.10234	4.04478	-0.335097	0.580737
FBXO33	2.62878	2.53299	-0.0535563	0.979701
ELMSAN1	3.1503	2.80697	-0.166476	0.847244
RPTOR	5.8026	7.05539	0.282026	0.525374
PRDM2	2.26455	2.25251	-0.00769088	0.99714
AGPAT2	291.764	348.837	0.257751	0.565672
SUDS3	6.55698	6.57707	0.00441256	0.997527
CCDC103	1.371	1.90725	0.476261	0.439804
HLA-DMA	0.361225	0.206496	-0.806784	0.603292
ALKBH3	19.8969	15.1257	-0.395547	0.268523
FUNDC1	12.5705	11.756	-0.0966364	0.948179
GLS	9.512	11.5579	0.281063	0.482736
TRIP6	284.24	246.577	-0.205069	0.714136
CORIN	0.156379	0.0944362	-0.727639	1
PCDHA1,PCDHA10,PCDHA	0.165014	0.0689903	-1.25813	1
SUZ12	9.60024	10.2418	0.0933224	0.935939
NYAP1	1.89461	0.822582	-1.20367	0.00593755
LOC100132832	0.761289	0.602119	-0.338396	0.761735
TCTA	8.93477	8.33294	-0.100604	0.942519
STX10	94.4431	103.54	0.132669	0.87753
ERICH1	9.5279	12.1774	0.353977	0.384992
GPCPD1	2.79943	1.66857	-0.74652	0.009453
ETS1	25.9851	17.0714	-0.606105	0.0139368
SLC46A1	5.76454	8.56637	0.571479	0.0410573
PPIP5K2	2.39396	1.60988	-0.572446	0.0648441
KIAA1211	2.66566	1.05658	-1.33509	0.00134142
ING3	8.07436	4.72604	-0.772715	0.0114515
GSPT2	4.41847	4.6223	0.065066	0.974044
DENND4A	1.11823	0.881855	-0.342603	0.498778
HIAT1	12.7972	14.3243	0.162636	0.821056
TUBA8	5.85114	6.40539	0.130568	0.915538
ASIC3	1.6279	1.44368	-0.173259	0.931471
NKIRAS2	14.1393	13.6956	-0.0459995	0.99351
AASS	5.69188	5.3427	-0.0913349	0.942827
EEFSEC	15.2355	9.68222	-0.654032	0.0240561
TET3	1.09491	1.1699	0.0955756	0.950929
RHEB	85.455	79.6576	-0.101352	0.926258
WDR20	8.53495	10.7398	0.331511	0.409132
DDX55	9.87299	11.1194	0.171516	0.810878
SNX17	45.974	49.0951	0.0947598	0.943351
HIST2H2BC	7.65246	8.80471	0.202351	0.909694
NADKD1	3.32503	3.06621	-0.11691	0.928069
IFNLR1	1.60907	1.64235	0.0295399	0.991094
RSL24D1	133.576	89.8742	-0.571681	0.0322484
CNN2	131.149	126.462	-0.0524957	0.976618
NR2F6	111.135	183.538	0.723765	0.00509212
GLE1	33.1933	23.868	-0.475816	0.0860016
RAB40B	11.4764	16.2088	0.498107	0.131385
STAU1	31.3075	33.6466	0.103956	0.923433
SCAND1	167.809	179.757	0.0992261	0.930956
MAGEF1	33.1847	46.7528	0.494535	0.0786602
CHCHD7	21.7081	28.1832	0.376603	0.277735
NDUFAF6	9.46508	19.455	1.03946	0.00134142
B4GALNT3	2.11468	4.04691	0.936383	0.00337323
MEF2D	10.1909	6.43047	-0.664284	0.0139368
KEAP1	39.3165	58.311	0.568635	0.0231741
RMND1	28.941	17.2038	-0.750391	0.00134142
PPRC1	11.539	17.1309	0.570079	0.0318033
ATG4D	19.9645	24.8733	0.317156	0.819455
ZNF397	1.64466	1.05738	-0.637296	0.482196
DDX56	37.2221	70.3544	0.91848	0.00134142
LPCAT2	2.04803	1.68478	-0.281672	0.613093
SLC10A3	30.1835	40.8846	0.437799	0.156302
INSIG1	14.3772	18.1686	0.337667	0.369215
VPS26B	16.4874	17.6885	0.101455	0.926446
TMEM147	204.051	289.69	0.50558	0.0715857
SLC38A5	180.812	193.004	0.0941362	0.938194
RAB3GAP1	8.82049	6.66692	-0.403837	0.180085
SH3GLB1	9.12349	7.7138	-0.242143	0.602446
RSL1D1	67.2191	72.2564	0.104254	0.928268
YAF2	2.61945	2.72049	0.0545987	0.979701
HPRT1	73.0434	67.1925	-0.120453	0.899883
MAZ	130.242	184.085	0.499175	0.0909525

STX8	47.2145	37.7765	-0.321742	0.412458
PTPN2	19.4724	20.3026	0.0602308	0.970195
ZNF137P	0.337787	0.252164	-0.421749	1
RAC1	106.978	114.145	0.0935549	0.934345
COPB2	22.037	21.6404	-0.0262006	0.98972
AAK1	0.955734	0.889	-0.104427	0.92969
FKBP4	68.9722	117.332	0.766512	0.00134142
FICD	0.675149	0.508849	-0.407969	0.795219
CADM4	13.8364	13.7149	-0.0127164	0.99584
RANBP3	24.2127	36.5323	0.593409	0.0227017
GSE1	5.57797	3.56346	-0.64646	0.0200038
PRPF39	6.28613	7.52739	0.259978	0.882523
CDH20	0.172062	0.181401	0.0762585	1
BCORL1	2.6905	3.38198	0.329995	0.450569
GID4	3.68847	2.96239	-0.316258	0.520122
SLC25A12	3.88191	4.1767	0.105596	0.932231
TYW3	9.61566	13.5225	0.491909	0.266383
GINM1	15.0223	10.3529	-0.53707	0.0924793
APPL1	3.76863	3.28613	-0.197651	0.755277
MIER1	6.33932	5.15614	-0.298036	0.505095
NAMPT	20.562	20.4375	-0.00876654	0.997036
AXIN1	30.1046	32.335	0.103115	0.919921
SLC25A11	71.9857	73.4254	0.0285706	0.987896
ABCG4	1.44645	2.68296	0.891307	0.0217078
CSTF1	13.3425	13.1788	-0.0178063	0.99351
PRADC1	16.6075	25.5192	0.61975	0.0357572
GADD45G	2.14921	1.30142	-0.723721	0.407592
ZNF593	146.221	304.71	1.05929	0.00134142
SMARCE1	35.6577	32.6036	-0.129181	0.882845
SMARCC2	15.5545	10.5222	-0.563893	0.0283563
ROMO1	452.408	570.103	0.333596	0.456016
CERS5	28.933	25.9602	-0.156413	0.831797
UBXN2B	6.70218	5.76436	-0.217471	0.691625
STAMBPL1	3.79001	4.82074	0.347054	0.495862
TMEM39B	17.5429	16.7272	-0.068694	0.967901
NIPAL1	0.147079	0.276718	0.911824	1
HHLA3	33.1398	26.7872	-0.307018	0.515524
DCPS	33.4218	28.9751	-0.205975	0.732235
CSDA	138.743	168.362	0.279156	0.503513
PARP8	2.34611	1.76021	-0.414524	0.234962
PGP	10.9567	27.0778	1.30529	0.00134142
PPM1L	0.313701	0.286162	-0.132558	1
CCDC109B	35.6732	24.5955	-0.536449	0.0551188
INTS8	14.2372	10.009	-0.508365	0.180085
TBC1D22A	13.8452	8.48285	-0.706768	0.009453
LPAR2	17.1652	12.4868	-0.459082	0.181616
FASTK	48.4004	49.7885	0.0407912	0.982703
BYSL	37.7198	66.2304	0.812173	0.00134142
GBAP1	0.959438	0.665226	-0.528345	0.948088
SELK	60.9404	62.8598	0.0447375	0.979733
WDR75	9.34026	11.0869	0.247315	0.610107
SIPA1L3	2.83293	4.18727	0.563716	0.0718958
TM9SF4	15.7288	14.2304	-0.144431	0.850795
MAML1	5.92924	6.23506	0.072555	0.961224
VKORC1	372.423	293.408	-0.344034	0.317328
RPUSD1	78.5807	165.858	1.0777	0.00134142
ATXN10	21.26	19.699	-0.110024	0.913628
TRAF7	31.8341	27.3608	-0.218464	0.768947
MST1P2	0.733737	0.281644	-1.38139	0.0531423
WDR48	5.61825	4.62426	-0.280899	0.541215
GNPDA2	4.14112	3.26341	-0.34364	0.516801
GLMN	4.94824	7.06245	0.513254	0.367602
FANCL	8.18731	8.74287	0.0947166	0.959465
C1orf109	6.74208	10.7459	0.672519	0.0145499
RNFT1	7.59458	5.92703	-0.35766	0.386369
C12orf52	23.3631	34.1816	0.548992	0.0414844
STRADA	12.9969	9.65624	-0.42863	0.223398
GULP1	2.49887	1.35913	-0.878593	0.00882987
GATC	8.3709	12.0011	0.519709	0.737796
RNPEP	34.7606	31.4912	-0.142502	0.855793
C11orf84	46.3235	83.7826	0.854906	0.00134142
DHRS13	35.9196	19.0261	-0.91679	0.00134142
AMMECR1L	6.42459	5.99022	-0.100996	0.930066
TWF2	111.401	96.139	-0.212567	0.678263
STUB1	57.6038	83.6378	0.53799	0.320834
HSP90B1	102.032	116.401	0.190088	0.760181
JARID2	2.15455	1.6127	-0.417907	0.338717
ADAR	21.2124	25.3468	0.25689	0.576306
HERPUD2	6.5254	4.14223	-0.655658	0.0283563

PGGT1B	4.3414	3.35153	-0.37334	0.371379
SH3RF3	0.912177	1.41129	0.629628	0.14313
TOB2	15.7929	16.8144	0.0904187	0.940338
LOC728554	27.7702	26.3419	-0.0761796	0.95534
PROCR	170.974	180.127	0.0752316	0.957925
UBE2D2	35.5528	35.9413	0.0156783	0.99351
RP9	14.0488	15.525	0.144147	0.87753
STRN4	47.927	46.0918	-0.0563289	0.974169
MAPKAPK2	34.1508	41.9148	0.295544	0.425069
LOC100132707	0.87451	0.879489	0.00819089	0.999124
PIK3CB	2.79965	3.41172	0.285253	0.557793
CCNYL1	2.79965	4.01612	0.520555	0.207647
USP42	2.53485	3.0853	0.28351	0.602221
ARFGAP3	7.33327	8.15452	0.153143	0.860963
CCNB1	52.9792	87.6966	0.727095	0.00425224
PAX6	0.0957016	0.08683	-0.140349	1
IP6K2	59.4336	38.9762	-0.608684	0.0235476
MAFG-AS1	6.78397	7.78335	0.198262	0.830662
C17orf96	24.702	44.3072	0.84291	0.00134142
FIS1	189.88	242.552	0.353206	0.286255
BRD8	12.053	10.3766	-0.216059	0.693347
CTNNA1	31.6515	28.9366	-0.129378	0.877363
CSPP1	2.09437	2.99122	0.51422	0.116242
MUTYH	11.176	8.18674	-0.44905	0.721775
CARM1	48.2724	48.9319	0.0195751	0.993379
PHLPP2	1.43631	2.23405	0.637292	0.0200038
EXT1	13.7028	8.05733	-0.766096	0.00337323
ZNF706	39.7455	44.9683	0.178118	0.773127
KLF16	51.5949	87.0249	0.7542	0.00134142
VAC14	28.4947	25.5365	-0.158133	0.82313
CENPI	0.578788	0.526006	-0.137956	0.95534
ZNF330	27.9727	24.6045	-0.185099	0.75896
TAF8	4.8032	5.11479	0.0906789	0.947511
HIPK1	2.45349	2.75584	0.167655	0.832021
LZIC	10.3383	7.12298	-0.537448	0.108427
EIF2S3	93.234	92.193	-0.0161996	0.99351
FAM60A	30.1766	31.2421	0.0500627	0.977332
TTC8	5.57973	4.66303	-0.258928	0.664752
ALG9	3.88202	3.04643	-0.34969	0.374906
GABARAPL2	104.536	85.9943	-0.281682	0.475849
RNF19B	11.0657	7.64835	-0.532875	0.0860016
C2orf81	3.91587	1.56061	-1.32722	0.00134142
SNAPC2	59.4595	58.3725	-0.0266195	0.989748
C7orf73	13.2635	12.4463	-0.09175	0.946257
RNU6ATAC	37.5275	36.6168	-0.0354459	0.995709
CHMP5	34.0319	21.9957	-0.629665	0.010797
GXYLT2	0.67796	0.231897	-1.54772	0.0504457
LINC00857	0.97835	0.607117	-0.688376	0.217848
MIA3	4.21882	3.05607	-0.465164	0.109152
RLIM	4.31447	3.51094	-0.297325	0.432653
NKD1	1.13211	0.790834	-0.51757	0.188097
LITAF	28.9974	31.8378	0.134815	0.869078
NEIL2	22.8353	21.9936	-0.0541852	0.976214
LIPE	3.53474	3.17341	-0.15557	0.897072
SH2B3	11.784	16.1685	0.456352	0.116841
MIER3	1.77617	1.8724	0.076123	0.972374
PPP1R13B	2.51709	2.93549	0.221842	0.752528
EPS15L1	13.1695	12.6284	-0.0605257	0.970346
KANK1	2.17637	3.08745	0.504492	0.126367
SEC22C	7.80343	7.14291	-0.127598	0.974044
DPH3	3.34536	6.37715	0.930752	0.00134142
CCNB3	0.46952	0.148847	-1.65735	0.119072
ACTR10	13.5533	10.6389	-0.349298	0.343608
CHRN1	37.3941	17.2625	-1.11517	0.00134142
ERBB3	5.05585	4.36243	-0.212823	0.912767
PEX7	8.28523	5.00656	-0.726722	0.0306129
DEXI	30.3064	46.7986	0.62684	0.0178668
UBALD2	96.9328	40.7368	-1.25065	0.00134142
CLPB	6.37004	7.04841	0.145997	0.882107
GSG1	0.0394024	0.0825388	1.06679	1
SLC38A2	37.7232	36.8703	-0.032994	0.986832
BAG5	5.68628	7.76389	0.449294	0.137767
FAM53A	3.09846	2.21701	-0.482938	0.364638
CDC14B	4.30875	2.8524	-0.595094	0.0474163
TMED4	39.2081	34.7331	-0.174839	0.812317
PEF1	36.2001	43.2562	0.256914	0.58482
IKZF3	0.0175838	0.0250045	0.507945	1
VDAC3	108.287	126.474	0.223982	0.657176
SORT1	5.76803	5.72092	-0.0118324	0.995302

ANAPC5	46.6074	44.2467	-0.0749917	0.956807
APEX2	22.4282	28.3187	0.336438	0.352755
STK39	9.3927	6.77973	-0.470311	0.126498
SPSB1	15.6393	10.4038	-0.588067	0.0331269
C5AR1	0.311274	0.36559	0.232039	0.926423
CAPRN1	36.1796	31.7035	-0.190532	0.747331
SP2	4.33815	3.75814	-0.20706	0.806389
MIR663A	886.349	651.911	-0.4432	0.866035
ZNF138	2.86349	1.84193	-0.636552	0.0749663
UBE2W	4.69707	4.18372	-0.166974	0.836371
MPLKIP	25.8372	19.9357	-0.374096	0.358532
RTFDC1	49.0846	49.6339	0.0160552	0.99351
ARL5A	11.2204	12.7413	0.183389	0.772177
ITPKA	34.4692	45.682	0.406319	0.234115
SCRN3	1.78473	1.06292	-0.747666	0.0407579
SAMD9	0.191296	0.170945	-0.162268	1
FLJ33630	0.93592	0.421376	-1.15128	0.009453
AGA	2.29542	1.34502	-0.771135	0.0592084
LDLRAP1	9.67898	11.0637	0.192911	0.773687
PPAT	7.42632	11.3917	0.61726	0.0178668
OCIAD2	277.869	205.852	-0.432797	0.148094
PKD2	1.66427	1.45264	-0.196214	0.827718
SF3B3	23.5068	21.2929	-0.142708	0.851892
PHACTR2	1.78651	1.79129	0.00385575	0.997736
OARD1	12.3123	6.40127	-0.943677	0.00337323
TRAPPC13	5.64304	4.88817	-0.207179	0.881073
ARHGAP8,PRR5,PRR5-AR1	30.3911	58.4223	0.942871	0.00134142
GALNT7	3.84745	3.72017	-0.0485345	0.979701
GHDC	16.115	11.3986	-0.49954	0.0997646
NDUFV1	171.682	162.795	-0.0766807	0.956807
GNPAT	17.6839	15.3744	-0.201911	0.771183
BTBD7	2.91591	3.24747	0.155369	0.893663
STAT3	8.92398	9.92982	0.154079	0.8433
KIAA1161	1.27453	1.88671	0.565906	0.227652
NUDT19	15.9721	21.9919	0.461424	0.113441
EXOSC4	113.986	239.466	1.07096	0.00134142
SKAP2	4.21196	1.86243	-1.1773	0.00134142
SLMO1	7.5075	4.2464	-0.822094	0.021138
POLR1B	8.26411	12.7667	0.627453	0.0126858
DACT3	2.18609	2.04695	-0.0948809	0.990857
C2orf42	2.37988	2.53063	0.0886083	0.962439
MAMSTR	1.05852	1.81307	0.776391	0.202476
TSPAN3	45.2711	36.2543	-0.320439	0.372209
PPIG	7.61309	9.0428	0.248287	0.624011
TCEAL3	16.0719	10.9592	-0.552406	0.0924793
FAM175B	4.88222	4.60344	-0.0848228	0.955758
NDUFA6	65.3157	64.0982	-0.0271467	0.989268
CHEK1	11.9019	8.52244	-0.481851	0.109906
KHK	7.73094	14.4902	0.906358	0.0485415
ISOC1	8.16252	13.0413	0.676002	0.0139368
FAM204A	11.4234	11.2989	-0.0158103	0.99351
PPM1F	12.0641	19.0267	0.657313	0.00882987
TMBIM1	69.1596	61.1263	-0.178138	0.818667
TMEM145	28.0526	25.6088	-0.131493	0.890355
GTF2F1	56.4104	57.0867	0.0171948	0.99351
MTX3	1.55909	1.17632	-0.406426	0.292855
SNX29	0.475045	0.389858	-0.285117	0.761735
CDC34	127.288	170.572	0.422282	0.163378
CPD	4.10315	3.47222	-0.240872	0.617065
AZIN1	28.786	29.2933	0.0252016	0.990324
TICAM1	16.2591	20.4067	0.327796	0.387536
C7orf55,C7orf55-LUC7L2,LL	45.4426	43.7505	-0.0547439	0.979701
PMVK	26.7794	30.2807	0.177275	0.80896
ARID1B	2.99939	2.32892	-0.365009	0.326714
LPGAT1	5.05711	4.78434	-0.0799928	0.954677
C10orf114	8.64315	7.70493	-0.165776	0.88709
MRPL52	70.5249	104.454	0.566665	0.0357572
SNORA24	19.1541	28.726	0.584706	0.982143
GTDC2	9.4242	13.6919	0.538879	0.0868006
VWCE	0.478408	0.750246	0.649121	0.317439
SCRIB	35.6179	60.682	0.768665	0.00134142
PELP1	19.5158	24.4572	0.325613	0.360219
ATRIP,TREX1	5.6071	7.05411	0.331209	0.489231
CUTC	16.583	15.2654	-0.11944	0.978188
NDUFA4	72.7278	80.4128	0.144918	0.852163
WDR81	13.0595	18.2158	0.480088	0.108981
SYNJ2	1.10477	1.58695	0.522503	0.162218
TRAPPC3	65.0202	80.164	0.302067	0.453509
RNF125	2.12049	1.05329	-1.0095	0.00134142

IFNGR2	41.2906	49.4395	0.259854	0.66915
DNAJC30	10.9189	12.0169	0.138239	0.885255
SNX1	5.9559	6.35669	0.0939557	0.932468
TBC1D2B	3.42271	4.59108	0.423696	0.213201
FBN1	0.0160193	0.00625407	-1.35694	1
ATF1	6.90519	6.21749	-0.151347	0.862445
DNAJC18	2.08269	1.50073	-0.472781	0.213335
APPBP2	3.10712	2.31249	-0.42613	0.208364
CBFB	17.4377	25.0696	0.523735	0.0569429
EIF4EBP2	4.74433	4.9961	0.0745977	0.958814
CREBL2	5.69143	3.72819	-0.610315	0.0382315
ALG12	6.98295	7.80595	0.160739	0.871312
CHMP2A	110.652	94.8995	-0.221552	0.660278
KBTD2	8.33078	7.18065	-0.214338	0.691951
METTL2A	10.2574	11.2876	0.138079	0.876899
SETD2	2.70919	2.8553	0.0757796	0.958814
LTB4R,LTB4R2	3.95218	5.69768	0.527723	0.462301
STK10	6.98444	8.38217	0.26318	0.563967
GGPS1	8.80345	5.19124	-0.76199	0.00337323
WNT5B	0.05556	0	#NAME?	1
PPFIBP1	3.64416	2.62658	-0.472399	0.1419
MROH8	0.0958436	0.023441	-2.03165	1
ZC3HAV1	5.85712	10.2639	0.809313	0.00425224
LHFPL4	0.965526	0.724988	-0.413358	0.541876
TNFSF14	0.0414541	0.0169799	-1.28769	1
CDC7	2.42741	3.20604	0.401379	0.330501
MRPL33	134.531	160.32	0.253017	0.600828
KIAA1143	8.33944	7.0569	-0.240916	0.617065
PAF1	17.0873	22.3253	0.385759	0.229047
MARS2	7.71278	10.6195	0.4614	0.148987
RAPGEF1	18.5307	19.5189	0.0749602	0.956296
CASP10	0.974018	0.580971	-0.745483	0.0485415
HSCB	21.2517	18.0557	-0.235124	0.685616
MICALL1	22.0486	29.1633	0.403471	0.193966
FTSJD2	10.1366	9.3953	-0.109559	0.918361
ZDHHC7	12.4086	15.352	0.307088	0.436187
ASB7	2.44569	2.15547	-0.182238	0.871759
SETMAR	5.73204	6.39838	0.158657	0.896116
ZNF684	1.01635	1.23428	0.28027	0.78079
CPSF7	16.3651	18.4504	0.173024	0.801139
WSB2	19.7057	21.6841	0.138026	0.866805
EHD4	15.8839	19.7761	0.31619	0.402402
ZBED4	4.02522	3.80547	-0.0809945	0.956373
CTNNB1	55.3806	53.7729	-0.042501	0.979733
DISC1,TSNAX	9.89082	8.4458	-0.227856	0.663653
OGFOD1	13.5163	20.5078	0.601474	0.0240561
UBAC1	40.9003	48.2804	0.239326	0.614283
IMPAD1	10.8364	15.433	0.510125	0.066512
PIH1D2	1.19593	1.39289	0.219949	0.97725
GPKOW	10.002	8.52714	-0.230158	0.673171
EZR	71.8915	75.6361	0.0732539	0.958201
SPRED1	3.37537	2.5729	-0.391649	0.255557
MFHAS1	1.64514	1.46506	-0.167242	0.896464
TTC12	5.58957	2.95144	-0.921318	0.00134142
RPL13AP20	2.39533	2.2874	-0.0665187	0.987693
U2AF1L4	3.08484	2.88983	-0.0942101	0.977531
TOP3A	4.11692	4.93174	0.260532	0.62201
NEO1	6.60937	3.89321	-0.763554	0.00134142
MYCBP2	1.46799	1.82027	0.310316	0.41953
MBD3	65.375	131.68	1.01022	0.00134142
ELP6	26.7907	31.596	0.238008	0.646443
LOC100506314	0.643071	0.713499	0.149934	0.990857
PLEKHG2	6.38121	5.7504	-0.15017	0.848943
RRN3P1	5.27746	4.30522	-0.293757	0.62883
BRSK1	9.68844	8.3756	-0.210071	0.760508
TBC1D2	10.7248	12.5546	0.227266	0.716439
MEA1	143.51	157.256	0.131971	0.919029
SIKE1	4.30885	3.56709	-0.272555	0.556185
SMG8	6.17902	7.89321	0.353235	0.342898
CCDC19	0.167649	0.199947	0.254174	1
EIF2AK4	8.14857	6.80403	-0.260158	0.556835
NMB	34.4333	48.2057	0.485399	0.131385
ARHGAP27	6.8328	6.34079	-0.107814	0.937542
PNMA1	23.0639	26.0748	0.177021	0.784978
RRS1	38.4941	101.41	1.39749	0.00134142
VDAC1	146.64	171.332	0.224512	0.655528
VPS35	15.2561	12.1354	-0.330164	0.354308
CTCF	11.679	15.0574	0.366557	0.274963
MCM3AP	8.32352	9.3261	0.164079	0.812317

NDST1	4.43734	7.26502	0.711272	0.00509212
NTMT1	144.677	159.46	0.140357	0.952905
RFPL3S	1.93419	2.0048	0.0517288	0.987693
MYO1C	47.567	46.7195	-0.0259383	0.98972
ODF2L	2.94878	1.9938	-0.564599	0.0813633
MRPL19	7.60385	8.29893	0.126196	0.883961
ZCCHC10	4.25402	5.41309	0.347626	0.42745
DIS3L	3.56677	3.27038	-0.125161	0.920694
HES1	22.252	16.157	-0.461779	0.182485
THOC1	8.34284	10.5254	0.335268	0.397773
SARS2	16.2246	16.7184	0.0432563	0.993379
EIF4E2	41.7155	47.7962	0.196313	0.740319
ZBTB26	0.922971	0.474994	-0.958376	0.0648441
ZNFX1	2.15837	3.81489	0.8217	0.714085
PRKAB1	10.3846	10.0495	-0.0473217	0.979701
APOBEC3F	3.3	1.58448	-1.05845	0.169924
ZNF227	3.61397	3.07208	-0.234369	0.723055
SEPT11	14.6101	18.6954	0.355722	0.281159
RHPN2	4.42799	4.88253	0.140975	0.891331
JMJ8	53.3951	77.8023	0.543106	0.169001
RNF4	18.1424	26.2679	0.533937	0.0507992
TMEM97	26.5599	47.3175	0.833124	0.00134142
SLC7A5P2	0.485986	0.495187	0.0270606	0.994978
C11orf58	26.082	26.3317	0.0137478	0.994615
PLK1S1	5.71656	1.97477	-1.53347	0.00134142
HIPK3	0.406718	0.389608	-0.062006	0.985921
PSIP1	29.0176	21.8459	-0.409566	0.245718
SLC35A3	2.49744	1.73481	-0.525673	0.114654
NANP	2.62089	2.58065	-0.0223238	0.993108
SCAMP1	6.29866	4.51905	-0.479026	0.0944715
SOC57	2.13067	2.35549	0.144718	0.881073
GOLGA3	5.55993	8.72631	0.650307	0.00882987
DCAF4	9.42921	13.3319	0.499678	0.118183
TM9SF1	19.5078	20.3002	0.0574483	0.973683
CHD5	0.043382	0.0364499	-0.251182	1
NPAT	1.38666	1.22645	-0.177131	0.845969
ZNF738	0.684708	0.825376	0.269563	0.649163
COX10	7.98914	7.83946	-0.0272856	0.990857
MRE11A	1.82145	0.953417	-0.933911	0.00425224
CAMK1	33.2623	28.5121	-0.222312	0.776787
CASKIN1	12.4111	13.7288	0.145573	0.95534
PKD1P1	17.0434	18.8768	0.147401	0.849892
HSPBAP1	6.10705	3.0274	-1.0124	0.00243047
RBM23	26.2223	37.3996	0.512232	0.0554961
ZNF320	2.22516	2.14495	-0.0529636	0.979701
STK38	5.56366	7.55635	0.441654	0.165169
ACTN4	51.4335	61.9178	0.267647	0.604298
ICK	2.08181	1.14987	-0.856364	0.00593755
EMD	132.463	113.745	-0.219781	0.664504
UQCRH	917.717	975.79	0.0885205	0.945946
TP53111	14.4143	9.64797	-0.579206	0.036526
HMG20A	7.06186	5.13179	-0.460585	0.144914
S100A2	578.95	750.337	0.374098	0.258219
ALDH3A2	8.41547	7.93032	-0.0856658	0.949303
TROVE2	5.79562	4.56277	-0.345055	0.89239
LOC100499227	1.21321	1.25062	0.0438119	0.991459
IPO7	11.4784	14.1489	0.301774	0.415129
CYB5R4	3.94938	3.46887	-0.187161	0.833863
PKP4	8.46406	7.15611	-0.242173	0.622154
TPPP3	0.235642	0.0567652	-2.05352	1
ORAI1	36.6575	45.9876	0.327137	0.405491
FOCAD	2.10929	1.29144	-0.707773	0.0283563
GNL3	64.6865	90.0803	0.477747	0.302567
DIABLO	43.5282	45.2566	0.0561782	0.972601
CCDC171	0.469958	0.258476	-0.862501	0.0806848
CSNK1G3	6.24214	5.67956	-0.136261	0.885616
SNHG16	130.004	136.405	0.0693391	0.961224
UBA1	97.7133	113.37	0.214412	0.686761
GTF3A	113.131	133.324	0.236946	0.674163
TRIM62	3.16003	3.60862	0.191508	0.832722
MED31	7.79943	11.6367	0.577247	0.674803
KTN1	13.6197	16.3168	0.260657	0.581562
HMBOX1	0.871304	0.43605	-0.998684	0.0278845
USP45	1.13094	1.18394	0.0660781	0.976214
LARP4B	8.80739	11.4254	0.375463	0.234115
SLC25A41	1.32885	1.42847	0.104291	0.97355
PPP1R9B	17.5541	29.4816	0.748006	0.00243047
MTMR1	3.59399	4.65965	0.374634	0.401852
WNK2	6.29394	7.55329	0.263142	0.600983

CDCA7	19.7833	24.3273	0.298296	0.44532
STK24	35.2364	29.2513	-0.268568	0.507003
PIN4	12.0105	10.2672	-0.226254	0.851892
TGOLN2	14.9458	13.7993	-0.115148	0.909016
AGO1	3.33207	3.90763	0.229875	0.674625
RBM39	45.2938	50.4074	0.154322	0.834115
PLEKHJ1	112.091	111.27	-0.0106006	0.996079
FAM108C1	9.33227	14.4408	0.629847	0.0227017
STK35	7.06657	9.09097	0.363425	0.285653
SRRM2-AS1	0.295571	0.143122	-1.04626	1
ZNF605	1.50063	1.65365	0.140078	0.900578
EIF2B2	19.4158	27.236	0.488286	0.0870955
SCARA3	12.589	11.0849	-0.183567	0.78079
KDEL1	295.07	243.53	-0.276959	0.507441
FBA1	7.34522	8.49438	0.209704	0.900578
BPGM	4.59172	6.0241	0.391711	0.37535
TRPC4AP	39.8598	41.2972	0.0511081	0.978196
BRE	34.1501	17.8217	-0.938255	0.00134142
PATZ1	20.0464	22.6835	0.178299	0.793038
MTHFSD	5.37146	4.07456	-0.398668	0.348322
MICA	29.7207	40.8993	0.460607	0.102959
ARHGEF18	9.50368	11.0793	0.221302	0.671719
SMG7	8.89171	10.094	0.182964	0.771863
GTPBP10	3.72421	3.186	-0.22519	0.666593
ATL3	10.9626	10.7964	-0.0220297	0.991767
MECOM	2.11445	1.36636	-0.627896	0.0658487
LNX1	0.0889732	0.117289	0.398627	1
RABEP2	22.6255	37.4766	0.728042	0.00593755
MPP5	4.05287	3.94868	-0.0375716	0.985921
HSPA5	261.913	256.011	-0.0328774	0.987858
GADD45GIP1	231.835	309.537	0.417018	0.162218
IL13RA1	7.63309	7.07554	-0.109428	0.919029
IL10RB	22.0126	10.7921	-1.02835	0.00134142
HPSE	2.6383	2.11867	-0.316449	0.5155
FCHO1	8.08256	9.10695	0.172156	0.843815
SMAD1	3.71106	3.04705	-0.284421	0.63573
GPR108	40.7286	35.4355	-0.200849	0.722558
C2CD5	4.14987	3.07724	-0.431428	0.212961
SYNR2	106.896	172.874	0.693514	0.00425224
DR1	17.0517	18.1812	0.0925286	0.936621
PCDHB7	0.640884	0.325204	-0.978717	0.0718958
ZMYND19	85.2857	163.734	0.940977	0.00134142
C1orf35	32.8492	51.092	0.63724	0.0231741
NCK2	18.7799	20.3345	0.114741	0.918471
PDE7A	1.91152	1.89648	-0.0114018	0.996284
RABAC1	143.587	146.693	0.0308742	0.987627
WHSC1	13.1394	10.9346	-0.264995	0.537947
TAMM41	7.32682	9.35771	0.352969	0.477566
ZRANB1	4.28739	3.5817	-0.259455	0.615468
LYSMD3	2.25518	1.6273	-0.470759	0.208276
ARRB2	98.7918	83.5469	-0.241805	0.605975
MDH1	100.104	95.6767	-0.0652562	0.966946
SMARCD1	23.5398	29.6834	0.334552	0.326421
NDC80	11.3813	7.34966	-0.630915	0.0245451
FAM65A	20.3664	24.0391	0.23919	0.608559
KPNA3	7.13281	10.5382	0.563081	0.0354094
BAP1	24.6381	31.6544	0.361516	0.274527
GRINA	354.255	360.867	0.0266813	0.98972
ADSS	10.4073	11.1437	0.0986331	0.92969
METTTL25	0.599427	0.678904	0.179624	0.986822
ACSL4	9.71255	7.6377	-0.346713	0.311376
COL18A1	2.91368	6.18781	1.08659	0.00134142
LOC100505812	1.74336	1.61362	-0.111571	0.97814
ARHGEF5	4.02864	4.32137	0.101196	0.937403
NUP210	15.8274	13.2266	-0.258982	0.556835
WBP2	141.416	74.1952	-0.930551	0.00134142
CNNM3	7.76266	11.0777	0.513041	0.0792619
TAB2	8.89276	6.75962	-0.39569	0.207506
LIMK1	21.414	16.7917	-0.350803	0.308645
PPA1	188.514	208.217	0.143419	0.8561
LGALS8	7.61194	4.16248	-0.870823	0.0784289
MRPS5	39.4594	50.1941	0.347147	0.29367
LRRC8C	4.21878	3.93347	-0.101022	0.930066
FBXO6	17.3815	13.1782	-0.399405	0.2998
DPY19L2P3	0.2354	0.137884	-0.771661	1
FAIM	6.66497	10.0388	0.590912	0.0925999
ISOC2	87.1551	134.198	0.622705	0.0217078
FBXO18	20.7987	19.4426	-0.0972715	0.946274
SLC9A7	4.90327	3.29189	-0.574826	0.0306129

PROM1	0.0167076	0.00406147	-2.04043	1
LRRC45	10.068	10.0111	-0.0081708	0.997036
C18orf21	20.4995	17.3652	-0.239393	0.68423
NSDHL	24.451	35.9993	0.558075	0.036221
PMAIP1	12.1654	7.67291	-0.664936	0.0250278
NMRAL1	39.3492	29.9239	-0.395039	0.748333
UBR3	1.81187	2.43742	0.427872	0.218942
GMCL1	1.72297	1.5763	-0.12835	0.942519
TMEM14A	24.6864	20.5558	-0.264167	0.598254
PRPS2	28.5009	25.5873	-0.155582	0.827857
MED16	29.6322	27.4333	-0.111239	0.91437
RREB1	2.86683	2.64919	-0.113907	0.925147
ME3	9.42292	8.9523	-0.0739158	0.965929
RAD21	60.6938	46.9096	-0.371667	0.249612
GPR137C	0.103476	0.0902508	-0.197287	1
EFNB2	1.24356	1.45558	0.227121	0.802689
NSD1	2.05741	2.35729	0.196302	0.750701
FAM118A	5.62833	5.52112	-0.0277465	0.990857
KRAS	4.82294	4.52065	-0.093382	0.943036
LOC550112	6.5514	3.16201	-1.05096	0.00134142
CDK2AP2	52.5489	61.8507	0.23513	0.658298
ASNSD1	16.9432	21.1569	0.320423	0.377326
TOR3A	19.2331	41.9891	1.12642	0.00134142
H2AFV	43.5795	41.294	-0.0777173	0.961563
VWA5B2	3.2321	1.25852	-1.36075	0.471406
C17orf80	2.94969	3.76786	0.353185	0.407645
ZNF341	1.76079	2.47561	0.491561	0.312197
UVSSA	1.0527	0.480853	-1.13042	0.00882987
SKP1	110.791	135.439	0.289802	0.462141
ZMYND8	2.16697	1.321	-0.714046	0.0470437
TRMT2A	16.133	23.133	0.519938	0.274249
IL27RA	9.29389	21.2726	1.19464	0.00134142
ZNF808	0.467252	0.317143	-0.559068	0.393354
KIF7	8.19583	15.672	0.935224	0.0132924
UNC93B1	35.0559	27.4028	-0.35533	0.300705
FN3KRP	15.2795	12.7636	-0.25956	0.617065
PARG	3.90821	4.28456	0.132641	0.909694
LOC388796	127.179	162.684	0.355216	0.298162
GPD1L	3.03364	5.80302	0.935754	0.00134142
STAG1	3.50739	3.68796	0.0724252	0.963549
UBAP1	20.9142	16.929	-0.304987	0.462141
LARP1	24.5282	34.3757	0.486951	0.0906031
TRIM5	2.36811	1.28353	-0.883624	0.010797
SPCS1	165.447	166.681	0.0107256	0.997036
IQCG	10.5525	17.6751	0.744135	0.934181
LAPTM4A	94.9169	74.0204	-0.358742	0.285784
HOXB6	5.91757	7.91286	0.419195	0.549068
RAB7L1	8.58975	8.92162	0.0546904	0.975734
SNIP1	4.06051	3.82621	-0.0857429	0.954559
INPP5F	5.08832	5.00345	-0.0242662	0.99451
HDAC7	17.9362	24.347	0.440869	0.261459
CHUK	3.1727	6.59255	1.05513	0.00134142
ASB16-AS1	5.27268	4.42611	-0.252499	0.811389
ERC1	2.4495	2.33555	-0.0687265	0.966946
SNX8	16.165	13.3803	-0.272769	0.516969
CBWD3,CBWD5	1.77326	2.4257	0.451997	0.395255
BPNT1	9.14528	7.25205	-0.334639	0.931816
POLDIP2	56.8617	60.0039	0.0775997	0.959465
DNMBP	1.70465	1.39827	-0.285825	0.622505
GLYCTK	8.92367	6.96783	-0.356928	0.494676
TRIM7	13.6409	23.447	0.781467	0.0222212
MAN2B2	10.9106	8.7092	-0.325118	0.386953
LOC550643	89.9104	93.3644	0.0543845	0.976214
CCDC142,MRPL53	102.981	122.495	0.250344	0.7578
KIF23	10.9261	11.0621	0.0178501	0.99351
PINK1	19.8117	20.2445	0.0311742	0.987627
RYK	18.2246	18.1328	-0.00727841	0.997036
HOXA5	9.14957	10.491	0.197375	0.932297
C10orf2	20.5555	35.1653	0.774624	0.00509212
PTCD3	10.4397	9.8146	-0.0890759	0.942472
MRPS7	42.1735	56.4502	0.420641	0.446323
UGDH	6.80209	10.9737	0.690006	0.0126858
CTDSP1	48.287	41.4659	-0.219707	0.668862
SUN1	16.8873	14.4112	-0.22875	0.647944
TLL4	6.49665	7.6587	0.237402	0.637231
DMAP1	16.8309	21.4714	0.351303	0.377473
KHDRBS1	88.8536	76.6665	-0.212834	0.693258
ATF7IP2	1.53934	1.56935	0.0278494	0.991767
ZNF74	7.89751	8.34897	0.0802	0.957925

SOD2	32.8076	53.3745	0.702119	0.010797
DMWD	10.5131	10.7532	0.0325883	0.988019
SEL1L	4.36177	3.47131	-0.329435	0.363804
LOC645513	2.21748	2.02839	-0.128583	0.979484
FBXO7	71.3007	63.24	-0.17308	0.790283
MIB1	1.97741	1.14511	-0.788124	0.00134142
ELMO2	4.6401	5.33198	0.200516	0.769235
MYB	1.20396	1.79245	0.574147	0.174284
RBM27	2.87173	2.97961	0.053202	0.977696
GNS	9.80353	6.84548	-0.518149	0.0576801
C2orf69	4.22568	4.98817	0.239327	0.666069
MSL3P1	4.98998	4.83851	-0.0444712	0.984917
ABCC10	1.97962	4.29224	1.11651	0.00134142
NOTCH1	7.21708	12.6655	0.811421	0.00134142
PRKCD	14.4234	17.703	0.295579	0.463191
VRK3	12.0903	8.67236	-0.479352	0.154481
VIPR1	0.813973	0.414998	-0.971877	0.0810244
AP3B1	5.83512	3.58672	-0.702097	0.0120701
PPARD	11.2338	12.9715	0.207502	0.726892
FBXL12	13.2251	12.1454	-0.122872	0.916838
ARRB1	4.82404	6.59757	0.451692	0.128873
GMEB1	1.74513	1.15699	-0.592951	0.194841
KAT6B	1.16304	1.04649	-0.152343	0.890666
BAI2	3.06754	3.32342	0.115585	0.935939
SNX9	12.2085	9.01303	-0.437803	0.139454
DYNLL1	306.957	583.177	0.925899	0.00134142
NCOA5	10.4018	14.6895	0.497947	0.0799746
ZFYVE16	1.38895	1.35856	-0.0319218	0.989365
PIGH	16.503	18.8975	0.195467	0.820869
PPAP2A	10.4911	8.54925	-0.295294	0.90486
C1QTNF1	11.1643	12.0003	0.104185	0.931822
TWF1	28.2315	27.2557	-0.0507477	0.977103
AUH	7.84884	6.82634	-0.201367	0.791404
LSM2	114.823	135.194	0.235619	0.621802
MIF4GD	26.8317	16.6849	-0.685394	0.547916
IFT20	28.1526	27.6842	-0.0242041	0.996079
HGS	86.9723	59.9808	-0.536057	0.0515434
HCG18	1.41296	1.95518	0.468585	0.691659
GNPNAT1	20.6745	27.645	0.419166	0.170566
KIAA1377	0.079765	0.0388756	-1.03689	1
WBP11	27.4318	27.85	0.0218281	0.991767
NUP214	8.05895	7.26798	-0.149037	0.845726
ARHGAP11B	0.926282	1.01086	0.126064	0.969075
TNK1	10.4993	10.1793	-0.0446639	0.99351
PRR3	5.45616	9.26273	0.763552	0.514922
MTRF1	2.67012	2.84535	0.0917011	0.958814
FUBP3	20.587	25.6954	0.319773	0.3703
RELL1	6.48868	5.90045	-0.1371	0.881688
EFCAB10	0.682531	0.664244	-0.0391821	0.980556
ARNTL	4.43449	2.79492	-0.665958	0.0439989
UCK2	23.6528	34.7437	0.55474	0.78908
GLUD1	40.0338	34.971	-0.195063	0.737545
RABL5	7.83256	7.16287	-0.128946	0.90731
COPRS	118.601	163.822	0.466007	0.0976197
RCN2	26.0287	24.4761	-0.0887285	0.942269
EPB41L4B	4.96063	5.84011	0.235471	0.674163
CIAPIN1	25.1156	39.8281	0.665204	0.0562227
C1orf131	5.67485	5.70577	0.00783917	0.998526
KRTCAP2	366.211	355.87	-0.0413267	0.979944
YIPF6	4.8781	4.09452	-0.252624	0.589726
SRGIN1	0.498039	0.292837	-0.76616	0.161153
POP4	13.8757	20.2249	0.543574	0.0439989
PCLO	0.01766	0.00962525	-0.875586	1
RALB	20.0524	18.8686	-0.087787	0.947008
USP39	33.0485	35.9703	0.122224	0.915538
UQCR11	83.4316	111.842	0.422793	0.158976
MARC2	5.0406	3.91218	-0.365624	0.507441
TM2D2	8.88691	9.51338	0.0982767	0.933023
C2orf27A	0.510106	0.344228	-0.567432	0.685308
UNC45A	34.6573	35.7959	0.046634	0.979733
MYSM1	1.43077	1.24719	-0.198114	0.795698
NOTCH2	4.56934	4.81519	0.0756048	0.95534
SPDL1	3.37109	4.31425	0.355895	0.430177
TTL12	55.9827	66.2824	0.243645	0.591478
GPLD1	0.34249	0.426921	0.317907	0.731968
FBXO8	4.0444	1.67119	-1.27505	0.009453
NUBPL	1.55255	1.11852	-0.473054	0.333252
UQCRRFS1	130.125	186.629	0.520276	0.049309
IFT74	2.84314	1.78429	-0.672137	0.691839

SMARCAD1	2.31668	2.59133	0.161638	0.866932
TP53BP2	11.5504	8.74937	-0.400694	0.200542
NDUFA11	485.792	597.292	0.298099	0.440427
ABHD4	8.52979	5.12759	-0.734229	0.0145499
ZC3H8	10.0206	9.00352	-0.154415	0.858101
TOMM40L	9.20775	16.4311	0.835507	0.00243047
RPRD1A	10.1218	11.2396	0.151124	0.837677
CPPED1	1.31428	1.64876	0.327113	0.509535
MAP3K11	20.114	27.5769	0.455257	0.129076
YTHDC1	5.4669	4.83381	-0.177562	0.788441
MAU2	7.12967	4.68324	-0.60633	0.0336095
AFMID	19.1822	17.1751	-0.159453	0.873414
KIAA0368	18.6551	18.0906	-0.044326	0.979701
CBLL1	6.19639	5.56822	-0.154214	0.845125
CPSF3L	79.3223	71.6959	-0.145836	0.885301
HLCS	2.86538	2.55047	-0.167958	0.835721
NAT9	27.8648	38.377	0.461795	0.113208
POLB	24.1923	18.4604	-0.390116	0.242534
GAS8	4.59745	3.56012	-0.36891	0.490137
GSTZ1	25.2736	18.0412	-0.486338	0.118183
MTMR9	1.34938	1.37174	0.0237071	0.991938
PRDX5	390.033	373.03	-0.064306	0.968067
YTHDF3	7.91259	6.50204	-0.283257	0.488907
FLNB	9.81502	6.7947	-0.530581	0.0451064
SF3B2	87.7153	93.6289	0.0941253	0.935062
CALR	517.179	766.327	0.567295	0.0547855
DEF8	45.1127	88.7141	0.975629	0.00337323
LINC00662	0.787239	0.550095	-0.517122	0.557685
ERP44	17.527	14.9478	-0.229646	0.638092
CD63	635.351	662.025	0.0593321	0.971854
SMG6	12.1739	12.8742	0.0806917	0.954677
CFLAR	3.71269	3.01932	-0.298244	0.851127
MX1	7.85685	8.20872	0.0632064	0.971854
KIF11	8.92288	7.78809	-0.19624	0.734977
NCK1	6.72661	5.62531	-0.257947	0.666392
DDX23	22.0553	40.4606	0.87539	0.00134142
ME2	14.6313	14.0858	-0.0548078	0.974044
VBP1	29.2182	33.1919	0.183964	0.757982
SLC35E4	11.1829	20.4505	0.870849	0.00134142
DGKG	2.24884	2.32547	0.0483406	0.980177
GRAMD1A	77.1666	48.6095	-0.666739	0.00882987
TUG1	8.29556	8.51983	0.0384854	0.982349
APTX	17.846	20.6137	0.208005	0.721025
S100A6	2333.21	3063.05	0.392655	0.264199
GCLC	6.51584	6.5489	0.0073026	0.997036
ARF1	303.089	357.619	0.238685	0.619231
EXOC3	12.69	11.6548	-0.122767	0.906892
GLRX5	51.0116	94.4651	0.888956	0.00134142
NKAPP1	0.469269	0.282365	-0.732857	0.291851
THEM6	84.6445	109.072	0.365797	0.263965
SUFU	4.29796	4.64366	0.111609	0.933242
ZKSCAN8	0.259925	0.239363	-0.118895	1
C9orf116	21.0634	21.5167	0.0307192	0.990857
ARGLU1	37.7867	54.0669	0.516866	0.0481547
CARD10	8.17716	7.97683	-0.0357849	0.986822
KLHL36	11.7667	6.14384	-0.937494	0.00243047
PTRH1	71.0244	84.3716	0.248442	0.646166
RAB2A	26.6238	24.7259	-0.106694	0.919029
TMEM237	3.7544	4.07709	0.118957	0.912689
UBA3	14.9226	13.9086	-0.101518	0.92969
MED24	22.6061	27.7601	0.296305	0.441032
PTCD2	2.43383	1.84032	-0.403273	0.480572
ANAPC4	5.94759	6.78742	0.190559	0.789041
ENOPH1	19.4475	23.8881	0.29671	0.445736
C19orf24	122.121	179.71	0.557365	0.0331269
HLA-L	0.0163424	0.0174964	0.0984422	1
ZNF777	15.7732	16.6501	0.0780562	0.956657
FBXO25	16.6738	9.957	-0.743796	0.00509212
SLBP	49.018	62.1003	0.341287	0.315059
ADRA2C	16.8972	13.1411	-0.362699	0.448101
PTGR1	76.941	61.1496	-0.331411	0.337762
GSKIP	5.26159	5.48656	0.0604016	0.976618
GUSBP11	4.02947	4.23412	0.0714751	0.972572
DPY19L4	4.38038	2.79871	-0.646293	0.0167292
FAM213A	18.0845	14.4859	-0.320107	0.415129
CCNK	19.0893	14.6415	-0.382698	0.697381
CST3	241.777	287.798	0.251379	0.568874
PISD	22.6795	36.3037	0.678727	0.0270114
ARFGAP1	30.4429	41.811	0.457777	0.112939

CYSTM1	87.8158	73.9483	-0.247963	0.585481
KLHL23,PHOSPHO2,PHOSI	6.96035	9.0581	0.380048	0.431019
ETFA	105.205	101.336	-0.0540647	0.976214
ECT2	10.2017	11.1121	0.123316	0.898084
IMPA2	30.1838	21.0214	-0.521918	0.0817307
NMD3	12.1178	10.9292	-0.14894	0.845971
CMPK1	28.4717	31.3836	0.140481	0.857872
ERF	26.5779	39.8928	0.585899	0.0235476
SPRTN	1.7675	2.90296	0.715808	0.0318033
KCTD10	11.1271	12.0807	0.118625	0.902703
SAFB2	12.8416	19.5793	0.608504	0.0227017
ZGLP1	1.84763	2.60686	0.496637	0.37859
CA5BP1	12.0964	17.5392	0.536005	0.148987
DNAJC8	84.8097	100.421	0.243757	0.605597
PTP4A2	45.9515	47.2695	0.0407992	0.981753
EXOSC10	22.8656	22.2274	-0.0408388	0.979814
PIK3R2	28.6184	37.3154	0.382828	0.231628
ZNF697	1.8175	1.81954	0.00161573	0.999214
FGFBP3	2.0233	2.03453	0.00798339	0.99714
XP06	33.1573	42.9703	0.374014	0.253296
SKP2	8.88731	12.371	0.477142	0.221303
CEP63	1.85852	1.29749	-0.518432	0.83481
CDKN2AIPNL	32.0155	29.3866	-0.123613	0.902188
TMEM69	40.8828	28.4517	-0.522979	0.0608269
SF3B14	258.713	319.705	0.305386	0.409068
MAP2K1	46.7979	40.5264	-0.207581	0.713308
INO80E	68.3516	83.2843	0.285069	0.606953
TEX10	35.3106	37.616	0.0912475	0.939091
RALBP1	16.3375	12.295	-0.410113	0.182099
C11orf74	10.3911	4.613	-1.17158	0.00134142
IFITM2	575.34	638.321	0.149867	0.845726
APRT	236.805	290.826	0.296458	0.45016
WDR11	3.9966	3.00979	-0.409107	0.244055
PINX1	13.2637	22.276	0.748006	0.00509212
TMEM9B	17.0169	21.8158	0.358402	0.302329
NLK	2.69799	3.73604	0.469629	0.188259
YME1L1	26.5682	23.0293	-0.206235	0.716439
MLLT10	9.04373	8.66393	-0.0618953	0.984033
ZC3HC1	19.6818	19.4997	-0.0134108	0.994615
TTC39A	4.81695	2.24625	-1.1006	0.00134142
NAPG	4.48553	4.85392	0.113874	0.920766
POC1A	17.8335	15.431	-0.208754	0.724812
CUTA	325.879	279.101	-0.22355	0.676575
TRAF3	3.91292	5.99226	0.614855	0.0194494
C14orf37	1.25693	0.524537	-1.26078	0.00134142
PSMB8	61.3436	55.992	-0.131693	0.954063
PITRM1	23.6056	20.6726	-0.191407	0.753148
TMEM143	2.88519	1.50921	-0.934877	0.0292254
CHRAC1	31.8713	34.7843	0.126181	0.884187
ZSWIM8	4.96851	6.43876	0.373969	0.346589
MCIN	1.6912	2.71687	0.683897	0.155313
WDR83	14.7409	19.7313	0.420659	0.926446
RNF38	3.19567	2.46652	-0.373643	0.344579
CCNA2	19.8841	22.2602	0.162845	0.887209
LYN	11.0657	13.2766	0.262786	0.537309
GTF3C1	6.83407	8.33796	0.28695	0.469503
C3orf17	9.57239	9.23884	-0.0511674	0.977332
CNOT1	16.4218	14.0999	-0.21993	0.698524
C6orf70	7.63438	4.0973	-0.897836	0.00134142
NDUFB4	279.27	300.436	0.105396	0.919029
SSFA2	6.54289	5.61213	-0.221379	0.678791
GPRIN1	5.94737	9.14222	0.620292	0.0292254
WDPCP	0.461844	0.30325	-0.606898	0.979701
AP2B1	46.353	36.6805	-0.337651	0.322381
MGAT4A	1.10433	0.999672	-0.143643	0.928371
PGAP2	21.2033	13.6933	-0.630815	0.400064
NCBP2	31.3887	37.8825	0.271286	0.501959
LINC00265	3.61249	2.34068	-0.626067	0.0875912
DKFZP5861420	1.08196	1.17977	0.124856	0.948179
LRRRC20	6.75445	3.92254	-0.784049	0.00672555
NIP7	21.7559	34.0228	0.645095	0.0474163
AUTS2	1.6118	1.64152	0.0263631	0.991767
C7orf25	5.50354	4.5927	-0.261018	0.686761
PRR14L	1.63617	1.73118	0.0814257	0.955758
C10orf12	0.643994	0.580019	-0.150948	0.930066
CSRFP2	39.9117	27.334	-0.546116	0.0551188
PPP1R9A	1.44053	0.922319	-0.64326	0.0357572
C9orf89	67.1518	56.0959	-0.25953	0.593697
RCN1	56.3757	55.0999	-0.033025	0.986832

RABEPK	43.0326	49.7314	0.208728	0.701805
TRMT1	52.3467	73.7407	0.494361	0.0713011
ETV2	0.548979	0.411143	-0.417112	0.844285
PPP1R11	46.3491	40.8585	-0.181903	0.766627
PNKP	36.7818	31.9776	-0.201932	0.725998
GGNBP2	13.5104	10.0552	-0.426135	0.170566
DESI1	19.4911	26.643	0.450943	0.12797
ANAPC7	13.0433	13.7799	0.0792539	0.954907
UBQLN1	34.411	38.1467	0.148691	0.842695
PRKCSH	240.906	199.484	-0.272195	0.532953
BAIAP2	16.0225	14.7068	-0.123609	0.904243
ZNF596	0.51397	0.202568	-1.34328	0.5414
WRN	1.74301	1.54924	-0.17002	0.856062
TMEM223	16.8978	13.7753	-0.29475	0.906141
CCNH	27.9227	26.1697	-0.093544	0.938194
RASA1	3.12506	2.10825	-0.567836	0.0865352
RABL6	133.522	152.374	0.190541	0.75896
TLL1	2.86772	0.999118	-1.52118	0.00134142
QSER1	2.72852	3.28108	0.266055	0.564914
CAPZB	98.4229	112.975	0.198934	0.726173
MTMR6	3.61746	3.30778	-0.129114	0.894976
LOC100131067	1.32959	0.672057	-0.984324	0.716439
NT5C2	7.37619	6.13016	-0.26695	0.565586
MAPKBP1	2.66174	3.10534	0.22238	0.727115
SUPT5H	33.681	31.0584	-0.116954	0.907651
FBXO11	9.34399	6.56326	-0.509625	0.316696
C17orf62	38.7528	32.6936	-0.245291	0.734977
MCU	6.95771	5.43477	-0.356393	0.373615
LINC00346	1.68448	1.06874	-0.656393	0.0451064
CNST	3.35308	2.2828	-0.554682	0.132134
TMEM43	17.5284	24.1261	0.4609	0.102329
AMD1	20.9906	37.2282	0.826651	0.00134142
LOC100287015	1.99414	1.71745	-0.2155	0.851868
TXNDC11	8.54972	10.3333	0.273349	0.728031
PDLIM7	87.7546	83.8534	-0.0656054	0.965735
LRRC6	1.02208	0.465407	-1.13494	0.0292254
CCRN4L	10.9119	12.0441	0.142423	0.884233
MRPS31	9.79575	6.92069	-0.50124	0.16366
GLOD4	33.744	30.9627	-0.124098	0.947096
EPB41	4.16441	3.41303	-0.287061	0.677929
SMARCB1	90.4525	86.0077	-0.0726939	0.958201
CBX5	4.15045	3.63356	-0.191885	0.797958
HYAL2	19.5155	44.5319	1.19022	0.00134142
ITPA	78.0659	94.3272	0.272981	0.522297
PSMG2	77.5237	58.1585	-0.414647	0.200143
C17orf70	15.2411	25.477	0.741228	0.00243047
TRDMT1	0.53057	0.309817	-0.776125	0.0698587
DUSP11	18.1926	16.5072	-0.140255	0.869885
SLAIN2	3.51315	3.31531	-0.0836211	0.954866
MTERFD1	33.4892	37.5842	0.166433	0.808353
VGf	27.8986	32.1569	0.204935	0.74078
DCUN1D4	5.66608	7.13912	0.333395	0.365964
SURF6	60.972	114.651	0.911025	0.00134142
HIST1H2BK	62.1422	198.685	1.67684	0.00134142
CCDC167	27.0346	25.2976	-0.09581	0.952905
SON	12.8032	17.3123	0.435291	0.132134
BTF3L4	14.5549	8.40766	-0.79173	0.00134142
MRPL49	34.0492	45.909	0.431157	0.909016
COPE	274.825	285.493	0.054939	0.974226
HAUS1	38.1566	30.9769	-0.300738	0.44532
CERS2	81.7205	99.4235	0.282889	0.475774
MDH2	347.635	355.621	0.0327678	0.986822
CDC42BPA	2.34569	1.83289	-0.35589	0.348909
GPATCH2L	1.25774	1.17732	-0.0953338	0.967901
CCP110	1.91233	2.08128	0.122142	0.919892
SEC16A	16.2103	19.2729	0.249661	0.593697
DDHD1	1.38811	1.78279	0.361016	0.33202
MGLL	26.8706	21.7792	-0.303078	0.421895
RNASEH2A	65.557	53.7808	-0.285659	0.491654
MED25	20.9677	17.7567	-0.239804	0.662533
PFDN4	28.8155	21.8629	-0.398358	0.212023
PPIL6	0.239486	0.136476	-0.811292	1
COG3	2.70322	2.40742	-0.167189	0.8501
CHAF1B	9.69758	6.34853	-0.611201	0.0373672
TMEM144	6.28226	1.22899	-2.35381	0.00134142
URM1	78.5004	79.5344	0.0188797	0.992797
SERPINE2	1.22181	1.62541	0.411779	0.524713
FAM120A	38.3851	39.8948	0.0556549	0.977369
CNOT3	17.5273	14.9027	-0.234028	0.707157

SMOX	20.859	17.4425	-0.258068	0.606507
PTP4A1	14.8689	14.834	-0.00338294	0.997892
PDE4D	2.2305	1.21109	-0.881063	0.00134142
LRRC58	3.82042	3.93864	0.0439648	0.979875
ERCC3	23.1082	32.287	0.482549	0.0757506
TBC1D4	5.23745	6.11102	0.222549	0.674081
IFT140	4.72245	2.03634	-1.21356	0.230495
PPP1R12A	4.43435	4.15047	-0.0954492	0.938123
HS6ST1	12.1353	20.8133	0.7783	0.00134142
TRABD	53.3554	80.4202	0.591923	0.0231741
ZC3H7B	10.0529	12.202	0.279505	0.510297
ANKRD46	3.46638	2.73349	-0.342686	0.495922
ANAPC11	131.037	130.086	-0.0105012	0.99625
ACTR6	10.3669	7.61375	-0.445305	0.180647
GSPT1	21.1038	29.111	0.464065	0.106054
IFT122	2.87078	1.74578	-0.717568	0.438806
TMEM126A	31.8227	22.3467	-0.509996	0.102585
LINC00641	0.78844	0.799429	0.0199705	0.995957
NTHL1	37.9362	52.5692	0.470644	0.119771
TPI1	1203.27	1312.78	0.12566	0.90608
RPL22L1	318.306	334.605	0.072047	0.960591
RING1	42.7636	33.5814	-0.348719	0.294732
XPO7	15.6097	10.8522	-0.52445	0.0615558
MIOS	6.68169	6.5745	-0.0233319	0.991767
ARHGAP18	1.37541	0.450013	-1.61182	0.00134142
TIMM22	25.1266	46.3074	0.882031	0.00134142
OAT	50.6299	54.6028	0.108985	0.912689
HMGB2	208.108	109.306	-0.928956	0.00134142
ECHS1	153.602	178.772	0.218925	0.66627
TNFRSF10D	35.5185	38.303	0.108886	0.922257
TMEM63B	9.53084	8.07398	-0.239323	0.664776
CDC42	2.06559	1.6002	-0.368305	0.494782
PCBP1	198.149	260.15	0.392758	0.224751
MAP3K4	2.33481	2.68813	0.203298	0.781336
TMEM98	49.285	40.2902	-0.29072	0.473105
DBB1	66.8357	66.5603	-0.00595828	0.99714
DOC2A	14.5815	17.0997	0.229828	0.890666
PTPRN2	2.49599	2.96497	0.248407	0.720797
IKZF2	0.0245111	0.00857503	-1.51522	1
ECE2	43.7812	69.5757	0.668273	0.0912351
HDAC8	10.4786	8.97048	-0.224185	0.75208
NSUN6	3.93243	3.089	-0.348283	0.469995
ZNF45	1.92716	1.99878	0.0526491	0.979733
TAF6	45.5492	40.5778	-0.166736	0.966946
RBM25	11.679	16.8739	0.530869	0.0489893
UBE3A	9.07058	9.6009	0.0819741	0.950929
YWHAQ	152.297	167.654	0.138593	0.870466
MUL1	19.6497	16.9545	-0.212833	0.708293
PLIN4	0.212152	0.0849279	-1.32078	1
COMMD8	10.7194	9.03586	-0.246495	0.680254
MED21	5.64724	5.16304	-0.129326	0.906895
NELFB	109.521	123.86	0.177497	0.775104
KIF1B	3.70273	2.68401	-0.464201	0.126367
COA1	50.1319	52.4007	0.0638562	0.969241
WDR3	12.632	18.5139	0.551531	0.0261279
VPS4A	59.6671	62.7165	0.0719097	0.958827
SMN2	2.29339	2.8789	0.32804	0.642487
PSAP	229.503	174.347	-0.396556	0.224751
SHKBP1	85.8167	74.2763	-0.208357	0.688434
G3BP2	15.5836	18.6009	0.255339	0.554911
VHL	18.3514	18.1601	-0.0151198	0.99351
LASP1	63.5135	49.7405	-0.352642	0.287528
LRCH1	2.7786	2.95755	0.0900443	0.953061
ESPL1	5.13433	5.11146	-0.00643867	0.997036
STMN3	18.6427	28.2472	0.599494	0.0283563
LOC100507577	0.429328	0.455843	0.0864547	0.985607
CHML	1.58946	1.8387	0.210149	0.758132
SIGLEC16	0.321667	0.288354	-0.157728	1
ZNF252P	4.13487	3.67671	-0.169428	0.819258
IBTK	4.68087	3.28061	-0.512813	0.074638
ATP5G3	66.777	90.7707	0.442875	0.142081
GPS1	81.4718	89.3429	0.133051	0.873414
NT5C	137.401	119.228	-0.204671	0.785358
HYPK,SERF2	162.947	209.876	0.365134	0.688314
KLHL22	7.84437	5.88218	-0.415307	0.300468
CA13	4.59004	5.26555	0.198077	0.771117
VPS54	3.28551	2.9505	-0.155157	0.865626
NUDT21	24.7615	19.5834	-0.338469	0.334951
STAG2	8.85529	5.10801	-0.793779	0.00134142

IFT52	11.9922	8.70412	-0.462321	0.168861
DCTN4	12.7109	7.51102	-0.758987	0.00337323
ANKRD44	0.50356	0.392608	-0.359073	0.714085
TATDN3	4.45959	2.11017	-1.07955	0.00134142
SCFD2	0.88799	2.01393	1.1814	0.00134142
DOCK5	0.635335	0.58426	-0.120909	0.945783
APLP2	83.2657	84.3631	0.0188906	0.993379
C1orf151-NBL1,MINOS1,NB	109.064	131.416	0.268968	0.592826
PPP6R1	41.4351	57.1047	0.462757	0.0960847
MIER2	15.6413	19.7818	0.338816	0.372752
SPAG8	0.0485743	0.0575049	0.243491	1
CTBP1	43.2515	51.2959	0.246094	0.585568
NT5C3B	57.1281	64.383	0.172479	0.797015
EHHADH	0.78732	0.36645	-1.10333	0.0126858
COG5	12.4209	6.44686	-0.946103	0.00134142
TDRKH	2.19615	1.05992	-1.05102	0.00243047
CNOT2	17.8635	14.6295	-0.288137	0.465131
ACVR1B	6.93556	5.85345	-0.244725	0.635935
ADNP2	10.9432	8.28524	-0.401416	0.200886
IFT57	7.68272	8.56742	0.157243	0.837131
TEX264	103.488	90.8649	-0.187671	0.754842
RNF113A	33.8194	27.8621	-0.279549	0.880508
PLXNA1	6.92371	12.9222	0.900239	0.00134142
SAR1A	26.6689	36.9858	0.471812	0.0820682
ZC3H12D	0.0275127	0.022604	-0.283522	1
MYO1E	6.06318	4.14001	-0.550439	0.0511722
GLCCI1	0.965338	0.726478	-0.410116	0.491762
PRPF19	85.0922	111.225	0.386386	0.235468
EVA1C	9.2541	14.4251	0.640418	0.0354094
GNL1	14.0068	16.2935	0.218171	0.721145
SLC25A40	2.44423	1.21388	-1.00975	0.29367
DET1	3.13944	1.94271	-0.692436	0.0879449
TFE3	28.7734	22.5939	-0.3488	0.29743
UTP20	1.60769	4.04024	1.32945	0.00134142
GTF2H4	29.6476	33.3238	0.168635	0.806494
ZNF205	19.1566	18.4164	-0.0568509	0.977531
MRPL30	16.9891	15.5846	-0.124488	0.894341
NAT10	29.1857	35.8733	0.297648	0.439482
B3GALT1	1.72412	1.68758	-0.0309052	0.990948
CORO2B	1.9975	2.96317	0.568947	0.165928
ACBD5	6.45069	4.88592	-0.400823	0.239198
LIMCH1	1.9446	1.37203	-0.50316	0.173927
RND2	0.475897	0.3319	-0.519903	0.462258
CC2D2A	3.47417	2.9751	-0.223729	0.845974
BIN1	33.4982	24.8846	-0.428829	0.165314
NDFIP1	27.673	23.7803	-0.218711	0.666069
VCL	14.7002	10.5864	-0.473625	0.108981
C10orf88	1.00984	1.00265	-0.0103188	0.997036
ARL16	25.0639	30.5956	0.287716	0.525867
TBL3	26.4217	34.0218	0.364739	0.275337
SH3BP4	3.91835	3.78749	-0.0490037	0.979701
SUMO2	320.674	302.704	-0.0831969	0.950929
ABCG2	0.484639	0.343154	-0.498055	0.464668
GAPVD1	6.49052	7.27238	0.164095	0.806888
SLC7A2	2.88893	4.4292	0.616509	0.0245451
ANKS3	7.41471	10.197	0.459689	0.233215
CDK2	35.0043	34.7335	-0.0112054	0.995957
EVI5L	7.45568	4.78761	-0.639033	0.0398899
CCDC132	2.41348	2.17942	-0.147175	0.87563
RASSF1	21.1015	32.3969	0.618513	0.0139368
RBFOX2	16.841	9.91513	-0.764271	0.00425224
ZNF429	0.515709	0.436747	-0.239759	0.879971
MED30	36.0358	21.599	-0.738469	0.00425224
RNF216	9.69707	11.0956	0.19437	0.743163
USP11	12.0061	9.07768	-0.403369	0.23942
KLF12	0.44683	0.131407	-1.76569	0.00134142
LLGL2	36.3151	41.8636	0.205128	0.770579
MPV17	45.9968	36.5535	-0.331524	0.378668
POLD2	160.561	154.341	-0.0569973	0.973879
ZC3H7A	5.16869	4.18808	-0.303509	0.485249
UBE4B	5.47588	4.57188	-0.260302	0.596611
SSX2IP	3.09577	3.1721	0.0351413	0.986822
RANGAP1	98.9655	130.444	0.398429	0.208084
CHD1L	30.2991	27.0886	-0.161591	0.8187
ESRRA	57.2003	71.1854	0.315559	0.808776
SPOPL	1.58708	1.12254	-0.499607	0.201532
METTL10	3.29024	2.67157	-0.300505	0.614283
LRP4	1.4675	1.51219	0.0432732	0.985325
MFSD12	74.7964	97.9204	0.38864	0.224094

LRRC1	3.85748	3.70548	-0.0579991	0.977332
ABCE1	20.0902	23.932	0.252451	0.615031
PBX3	18.8065	11.4081	-0.721171	0.00672555
CD68	431.075	333.152	-0.371759	0.272235
CLCN2	7.14347	10.6219	0.57235	0.252041
HDAC2	7.60864	10.757	0.499566	0.0580464
COMMMD7	31.8121	29.2639	-0.120456	0.901132
PTK7	30.9079	25.0069	-0.305648	0.427064
DBT	1.19626	1.01161	-0.241883	0.693347
DYRK1B	1.14241	1.90568	0.738231	0.147239
C12orf10	43.1171	43.0982	-0.000631931	0.999427
TDP1	8.4045	7.71809	-0.122917	0.907689
PPP6R3	11.9148	12.5483	0.0747356	0.954559
RANGRF	70.7148	81.4068	0.203137	0.751467
RTF1	13.3007	18.0344	0.439253	0.13673
CHID1	23.4014	28.5076	0.284756	0.476932
CPEB3	0.16851	0.109022	-0.628208	1
CREB3L2	4.48992	2.78138	-0.690891	0.117401
IPMK	1.8839	1.42347	-0.404309	0.328217
CCDC6	10.3237	8.27517	-0.319096	0.371147
SPPL3	14.3117	13.6081	-0.0727292	0.957925
MCOLN1	11.3186	18.8085	0.732685	0.0156972
UBE3D	1.68334	2.38292	0.501403	0.331815
EHMT1	11.797	13.5598	0.20091	0.721145
IRF9	2.5947	4.43437	0.773162	0.0439989
CHCHD10	325.242	363.372	0.159934	0.818634
EPS15	5.88634	4.08322	-0.527665	0.0608269
RNUFAF7	7.71513	7.62132	-0.0176499	0.99351
CASP9	4.29305	3.00105	-0.516535	0.240737
LOC441461	2.36339	0.465413	-2.34427	0.0156972
CLDND1	25.2135	16.6901	-0.595202	0.0235476
DNMT3B	1.55451	1.65628	0.0914829	0.965042
DDX42	17.4044	19.8924	0.192767	0.731968
C14orf119	26.1045	28.7002	0.13676	0.954677
SHANK1	4.79843	4.37541	-0.133145	0.907657
HMBS	25.9269	26.9846	0.0576867	0.973348
TRMT112	457.76	613.164	0.421683	0.293861
OLFML2B	0.584197	0.377724	-0.629122	0.397842
PAWR	16.717	12.2657	-0.446687	0.159174
HDAC11	10.2693	5.50877	-0.89854	0.00134142
NT5DC2	101.991	128.573	0.334142	0.330501
LAMTOR3	5.53616	4.35651	-0.345712	0.349757
NELFA	39.6405	33.493	-0.243116	0.611988
WFS1	14.1932	16.0155	0.174269	0.79799
HEPH1	0.00788055	0.00161155	-2.28984	1
CCNY	26.0214	24.6326	-0.079134	0.952469
GPR137B	10.4479	6.77573	-0.624767	0.0444101
NUB1	18.8778	15.3632	-0.297214	0.444143
TIPARP	11.8372	10.0349	-0.238292	0.631187
ATPBD4	3.19621	1.99135	-0.682611	0.0854642
SULT1A1	9.43448	6.9955	-0.431517	0.337927
ZDHHC18	30.6389	44.4741	0.537602	0.0444101
LOC100133957	2.62631	5.76356	1.13392	0.92844
PPP1R14B	454.717	640.444	0.494101	0.0790043
C19orf66	8.55118	12.2238	0.515502	0.174152
DDX54	33.6144	42.7506	0.346866	0.293045
CWC15	26.4542	22.3439	-0.243612	0.608559
RCHY1	4.17272	3.36712	-0.309474	0.476222
COX15	9.27387	5.50533	-0.752343	0.0266793
RTCA	16.6554	14.765	-0.17381	0.791404
ERAP1	2.98538	2.79015	-0.0975711	0.984917
FLJ38109	0.0375319	0.0587248	0.645852	1
TAF5	3.05034	4.25592	0.480502	0.842695
KDM4A	7.01172	4.97829	-0.494117	0.112706
IFI27L1	23.6093	17.9961	-0.39167	0.415394
IL4I1,NUP62	25.6121	45.178	0.818795	0.0678232
EIF4ENIF1	4.11206	5.28734	0.36268	0.377099
NKD2	13.9983	12.6774	-0.142999	0.895818
SH3BGR13	304.673	396.44	0.379841	0.235692
PXN	93.9959	85.6085	-0.134843	0.875582
BLOC1S6	10.9813	8.16196	-0.428058	0.15219
CREB3L4	6.01208	1.81422	-1.72852	0.483718
THUMPD3	11.9046	9.02633	-0.399311	0.188259
WHAMMP1	0.676312	0.627373	-0.108366	0.972989
FAM72B	1.67652	1.00685	-0.73562	0.0920155
CCT8	177.648	184.549	0.0549829	0.974169
MRPS2	297.24	373.083	0.327865	0.370382
NUP54	14.357	14.1241	-0.0235881	0.991767
SFT2D3	7.69634	6.72369	-0.194918	0.800595

RHOBTB1	0.766995	0.533648	-0.523329	0.324714
ARL3	6.34041	6.02259	-0.0741936	0.96103
FAM131A	16.3752	10.0324	-0.706837	0.0944715
BABAM1	54.1698	45.2729	-0.258842	0.550662
MED14	4.8281	3.58306	-0.430266	0.170566
PLCE1	0.0682431	0.0404814	-0.753422	1
RTN4R	18.728	20.2981	0.11615	0.927966
ATP10D	0.877327	0.77307	-0.182516	0.869168
TBCB	84.3699	93.3602	0.146078	0.909489
RAD23B	52.8852	55.0736	0.0584965	0.972176
LINC00471	0.151566	0.123173	-0.299258	1
DCP1A	3.54366	3.03584	-0.223145	0.704102
C11orf48	52.6449	101.378	0.945373	0.00134142
C14orf166	186.691	177.649	-0.071626	0.958814
WDR41	13.6456	9.08137	-0.587448	0.0278845
HSPA8	636.998	1176.29	0.884888	0.00134142
KIAA0556	1.53	1.613	0.0762178	0.967901
BCOR	1.79757	1.95255	0.119315	0.931471
ANAPC2	30.1792	47.3505	0.649826	0.287718
PLIN3	75.4132	66.1733	-0.188568	0.745866
BRD4	9.17349	9.07496	-0.0155787	0.99451
TDRD7	5.76802	4.5977	-0.327165	0.409587
SEC24C	11.2953	13.1273	0.216848	0.675671
MORN4	5.17665	3.56093	-0.539766	0.141455
ZNF215	1.72942	2.2243	0.363056	0.443183
CABLES1	1.81385	2.24832	0.309789	0.606735
STEAP3	16.5438	22.4528	0.440602	0.130354
UBFD1	7.63582	11.0353	0.531274	0.0504457
DYNLT3	5.47631	4.99783	-0.131904	0.908531
MUS81	30.02	24.211	-0.310262	0.423354
RASSF3	6.3777	11.4715	0.846949	0.00134142
TMEM44-AS1	2.01555	1.11813	-0.850082	0.741377
SP110	1.66643	2.22321	0.415882	0.448101
TAF1A	3.32449	4.34737	0.387011	0.41953
SLC25A39	375.667	443.466	0.239368	0.619877
MRPL12	152.157	224.837	0.56332	0.0274653
KANSL1L	3.46623	3.54872	0.0339285	0.990857
ZFAND2B	30.6804	26.3281	-0.220714	0.718598
POLDIP3	31.1128	32.3733	0.0572928	0.970195
ZNF524	29.853	18.0457	-0.726223	0.0172978
LRRFIP2	9.43693	7.84248	-0.267009	0.564914
PYGO2	11.2084	11.5149	0.0389207	0.984917
PLXND1	9.28493	8.91697	-0.0583374	0.973723
CAMSAP2	2.46401	2.38584	-0.0465076	0.979701
PRPF40A	10.4132	11.0215	0.0819168	0.950929
FAM166A	9.40994	23.2203	1.30313	0.927627
LDHB	844.482	875.005	0.0512231	0.978981
MMADHC	77.3361	55.0048	-0.491585	0.0792619
SEC61G	388.966	419.821	0.110133	0.912418
CCDC150	1.2309	1.43768	0.224032	0.808918
C3orf33	4.22979	3.25106	-0.379673	0.429721
CAMSAP3	13.5991	15.5991	0.197953	0.752793
AGAP8	0.885093	0.878809	-0.0102785	0.998526
C19orf40	2.48418	1.68626	-0.55894	0.367367
RPRD2	3.25732	2.58601	-0.332954	0.403645
ARF4	73.0502	98.0932	0.425265	0.151774
DNAJB12	17.1163	16.8421	-0.0232959	0.991067
SUGP1	16.2099	17.0199	0.0703487	0.964235
FAM111A	4.925	4.7722	-0.0454711	0.980119
RTBDN	0.471039	0.534098	0.181258	0.961
MKI67IP	50.0153	66.556	0.412197	0.183567
HIP1R	14.6097	16.2642	0.154772	0.831246
LYRM1	12.358	7.73043	-0.676823	0.0906031
LOC100289092	7.49598	4.7718	-0.651584	0.939091
SYK	9.18203	9.30985	0.0199453	0.992797
NDUFAF3	70.5715	70.1029	-0.00961143	0.997342
EXOSC5	144.009	129.332	-0.155076	0.830321
EXOSC6	29.1849	48.2275	0.724633	0.00743393
NBN	10.0314	11.4126	0.186106	0.757303
STARD7	38.7425	66.1055	0.770853	0.00134142
ATP11B	3.80733	2.416	-0.656161	0.0194494
GOSR1	5.57364	6.05922	0.120511	0.906464
HPX	0.2362	0.304822	0.367958	1
FAM69B	3.21407	3.19045	-0.0106408	0.998564
CLDND2	0.328677	0.243224	-0.434384	1
LOC728613	0.687683	0.543365	-0.339822	0.763767
RPL23AP53	1.71541	1.9727	0.201618	0.808353
SNRK-AS1	0.296137	0.142908	-1.05118	1
RNF220	42.8107	47.6648	0.154952	0.828458

MTO1	6.08263	5.52676	-0.138262	0.895818
TRIM27	34.9233	44.6642	0.35493	0.286255
TERF2IP	25.1752	18.3617	-0.455299	0.11933
MCMBP	16.2153	20.6047	0.34562	0.3126
CORO1A	18.9577	20.3467	0.102009	0.933843
RPAP2	4.52067	3.71073	-0.284832	0.739919
NUDCD2	43.85	39.1975	-0.161812	0.823658
UBR2	2.78706	2.67011	-0.0618472	0.970195
ELOVL1	95.8059	100.938	0.0752781	0.957925
ISG15	107.207	152.263	0.506176	0.070203
ABCB9	4.38403	4.98591	0.185599	0.838646
XKR6	0.15632	0.154335	-0.0184291	1
SLC6A4	0.051715	0.0792147	0.615187	1
PGM2L1	0.452194	0.429468	-0.074393	0.976595
SEC24B	6.0357	4.58181	-0.397605	0.24748
EGLN2,MIA,RAB4B	53.3782	60.0344	0.169541	0.804951
LAMA1	8.13641	5.1326	-0.664702	0.00882987
ILDR2	0.675926	0.751601	0.153102	0.907657
CHCHD1	76.5018	87.0371	0.186137	0.768707
C2orf43	3.31651	2.36559	-0.487462	0.202623
TEX14	0.031291	0.0224633	-0.478179	1
ZNF720	2.01595	1.58173	-0.349953	0.550253
SLC25A44	6.55448	10.752	0.714048	0.00818401
GAK	20.3109	25.4439	0.325068	0.358376
KCTD9	6.45586	6.1878	-0.0611842	0.972176
CHERP	20.3124	26.6025	0.389201	0.251362
TST	87.025	95.4343	0.133078	0.959465
RM11	1.98932	1.85577	-0.100256	0.950929
ACPL2	3.86676	4.27542	0.144941	0.886345
CCDC74B	1.38733	1.02051	-0.443023	0.678791
GLA	21.3875	30.6464	0.518953	0.942519
DHX30	34.2559	43.8588	0.356517	0.291092
MRPL18	75.7717	119.705	0.659757	0.0101293
MYL12B	642.142	625.047	-0.0389279	0.98386
CYP2U1	1.94777	1.36508	-0.512837	0.185616
FAHD2A	25.3489	15.1374	-0.743805	0.00593755
TMOD1	1.03674	0.501689	-1.04719	0.904734
OSBPL2	9.08033	9.67201	0.0910711	0.943861
MRPS11	24.9254	31.206	0.324206	0.387393
NOL8	6.49064	7.05626	0.120542	0.955433
SPRYD3	26.1646	27.0282	0.0468481	0.979701
UNC13B	1.42572	1.52159	0.0938893	0.95534
ZDHHC20	4.47775	5.05716	0.175553	0.805942
CUL3	6.10431	8.57993	0.491136	0.0778493
CASP8AP2	0.474754	0.649768	0.452744	0.351474
NIF3L1	20.1552	19.3989	-0.0551752	0.976149
ZNF32	25.6691	21.6392	-0.246383	0.670347
PDXK	18.4676	19.9921	0.114436	0.907929
BZW1	69.8795	67.4829	-0.0503486	0.977696
GNAO1	0.0160105	0.00523793	-1.61195	1
IKBK	13.1003	15.6124	0.253088	0.879514
PUM1	8.37245	8.02825	-0.0605639	0.969075
LUZP1	3.66037	4.66314	0.349313	0.318433
CDC42BPG	0.102466	0.0814905	-0.330441	1
ASPHD1	36.7629	51.3549	0.482251	0.098844
FOXD2	1.83264	1.33019	-0.46229	0.439254
LOC401397	76.3997	68.8127	-0.150893	0.833197
TMEM131	4.9186	3.86106	-0.349251	0.343998
TRMT44	4.52999	5.33476	0.235918	0.720774
B4GALT1	9.81562	9.34851	-0.0703422	0.961224
ALDH5A1	4.17662	3.15089	-0.406576	0.262523
CACUL1	7.57091	7.95753	0.0718536	0.959465
RRP12	13.0886	28.2877	1.11187	0.00134142
KCTD1	3.10572	2.64696	-0.230593	0.807726
STARD3	30.7703	27.1041	-0.183026	0.76964
LOC728537	1.01209	0.29922	-1.75805	0.0101293
PCBD1	210.364	207.123	-0.0224029	0.991767
COIL	5.49821	4.70401	-0.225071	0.721048
FAM3A	16.2519	12.5996	-0.367234	0.292039
VASH1	2.3233	2.90468	0.322202	0.507415
ARMC10	37.7122	36.5187	-0.0463952	0.980098
TRNAU1AP	14.2218	11.2359	-0.339983	0.671133
IKKB	12.9127	11.5551	-0.16026	0.827278
HCFC1	9.81327	15.4694	0.656614	0.0114515
NUTF2	271.708	309.273	0.186822	0.835941
TTF1	9.21168	10.6574	0.210317	0.750999
FAM210A	7.46497	7.01379	-0.0899429	0.944724
NLRX1	7.69065	4.07435	-0.916535	0.00243047
TM2D1	26.8662	17.9545	-0.581445	0.0470437

CNTD1	0.19483	0.20392	0.0657898	1
CTTN	70.7266	85.3026	0.270337	0.525846
SNAP29	6.93497	5.80504	-0.256584	0.59496
C1orf85	33.9444	22.7579	-0.576803	0.0431891
CUL2	8.58545	8.68259	0.0162314	0.99351
TNFAIP2	7.46375	10.0203	0.424952	0.205908
LSM5	21.3993	25.6271	0.260106	0.550228
POLR2G	124.606	107.805	-0.20895	0.69673
SMYD2	19.33	21.2645	0.137605	0.877493
ZNF833P	0.61489	0.468358	-0.392716	0.690479
VPS25	81.6975	65.921	-0.309555	0.408933
NR2C2AP	46.968	64.2034	0.450973	0.38398
KLHDC3	49.6554	37.7522	-0.39539	0.204348
MCF2L	1.88282	1.2486	-0.592581	0.111587
SLC25A17	12.7785	14.3884	0.171186	0.806888
CEP55	14.1489	13.3822	-0.0803756	0.954677
DPH1_OVCA2	116.265	121.122	0.0590556	0.974044
STK38L	3.0883	2.65542	-0.21787	0.728031
CYP20A1	1.43239	0.981739	-0.545013	0.108981
USO1	9.58078	7.28382	-0.395448	0.225852
ORMDL3	17.7856	23.1513	0.380382	0.25146
CDK7	38.0757	26.5184	-0.521879	0.0507992
FKBP11	158.151	172.217	0.122922	0.896032
COA6	73.8132	78.9339	0.0967644	0.93549
RAB10	27.2475	27.2942	0.00247233	0.998564
TLE3	8.64429	8.3031	-0.0580972	0.974044
HMGN1	214.424	241.854	0.173666	0.790283
MITD1	19.639	14.7866	-0.409434	0.277325
SRXN1	40.6258	51.6115	0.345296	0.300705
PTPLA	4.79117	4.47292	-0.0991607	0.958814
FARP2	0.609239	0.660181	0.115853	0.904554
PHF11	9.1631	4.86597	-0.913108	0.00134142
TOMM34	85.4693	97.7229	0.193291	0.739348
HIST1H2BC	2.12241	2.23666	0.0756378	0.988154
LINC00294	3.18736	3.83783	0.267931	0.642142
NDUFB2	163.618	165.463	0.0161745	0.99351
PDLIM5	3.06826	2.83613	-0.113497	0.950929
DOT1L	7.72758	8.75768	0.180532	0.779264
TSG101	35.1902	20.039	-0.812364	0.00134142
CDK5	38.4166	37.1786	-0.0472582	0.979701
CWC22	4.03856	4.25252	0.0744771	0.963209
DNAJC10	6.57542	6.81115	0.0508148	0.977332
AGMAT	7.29601	7.52889	0.0453295	0.987627
POLR3F	4.53277	6.36766	0.490372	0.14869
CCDC130	20.8656	18.5273	-0.171468	0.827718
AAGAB	13.372	17.1679	0.360497	0.386151
LY6G5C	2.4826	1.83815	-0.433599	0.674323
CEP57	10.2336	3.94137	-1.37655	0.00134142
GALK1	51.2505	39.4901	-0.376074	0.274547
PDXP	53.3926	89.7318	0.748979	0.00337323
TUSC2	19.9475	39.3817	0.981317	0.00134142
KDELR2	59.1781	72.0743	0.284421	0.484525
REEP5	27.6277	26.0978	-0.0821829	0.961432
C3orf62	2.63625	3.19985	0.279516	0.622082
KLHDC10	3.70501	2.41152	-0.619537	0.0278845
RAVER1	33.2316	42.9779	0.371038	0.248384
FLNA	79.9285	71.3687	-0.163418	0.825067
GLUL	23.5708	29.1025	0.304141	0.415129
LOC100289361	6.63233	4.9608	-0.418943	0.583774
ZNF765	1.06542	1.16402	0.127706	0.931816
THEM4	3.30205	4.39964	0.414025	0.243457
SLC9A3R1	53.1365	84.1926	0.663991	0.668888
TMEM115	39.9595	66.8726	0.742876	0.00425224
VMA21	10.685	16.52	0.628632	0.0132924
NUDT15	10.8794	16.9342	0.638338	0.0150729
RAB2B	3.79889	3.08485	-0.300376	0.580744
NUP153	6.38203	7.47267	0.227607	0.651194
TLE1	7.09683	5.18317	-0.453339	0.203111
RBM38	37.7073	50.3204	0.416302	0.524985
C20orf24,TGIF2,TGIF2-C20	94.2425	148.979	0.660663	0.0172978
ZNF587B	2.52116	2.88233	0.193146	0.820047
RAB22A	3.92475	3.58344	-0.131252	0.882983
LSM7	260.407	331.484	0.348171	0.298465
TIMM8B	49.7109	84.2557	0.761211	0.0340561
ZNF747	6.27918	9.65419	0.62058	0.0662578
STIL	3.89361	3.51553	-0.147365	0.870466
AOX1	0.0848918	0.080151	-0.0829043	1
PROSC	31.8964	30.1482	-0.0813225	0.950929
ZNF580	93.7237	84.0415	-0.157311	0.835119

CYP1A1	0.33267	0.226984	-0.551503	1
UBL5	556.682	679.352	0.287305	0.468427
LOC152225	7.43204	4.17771	-0.831045	0.00337323
MORF4L2	70.1482	86.9197	0.309278	0.420042
PIM2	20.0069	29.0008	0.535595	0.0477866
CORO7,CORO7-PAM16,PA	158.105	163.182	0.0456026	0.985921
CHST15	9.16734	9.6853	0.0792942	0.955758
SCP2	32.7548	27.4551	-0.254633	0.594881
UBE2I	85.3703	74.7486	-0.191687	0.752981
MYLK3	0.0181643	0.0169602	-0.0989579	1
ARHGEF28	11.332	4.28468	-1.40314	0.00134142
ELAVL1	18.8067	23.4677	0.319435	0.38253
SLC9B2	7.39177	5.7679	-0.357873	0.355857
ER13	56.3634	48.5368	-0.215679	0.671358
RPS6KC1	1.23371	1.42926	0.21226	0.819258
ERAL1	51.3074	53.7403	0.0668369	0.963457
CARS2	53.9684	45.6675	-0.240946	0.605597
API5	25.7426	33.7323	0.389975	0.210564
GIGYF2	5.92825	5.83857	-0.0219906	0.991767
ANKRD52	5.44251	10.7102	0.97664	0.00134142
MVB12A	64.6577	45.0544	-0.521155	0.0630479
NT5C1B,NT5C1B-RDH14,R1	11.1353	12.6639	0.18558	0.806183
USP1	12.1478	13.6849	0.171891	0.79799
RABGGTA	15.6663	13.1317	-0.254611	0.638545
YDJC	119.219	162.321	0.445236	0.134248
PPP3CA	2.37239	2.73783	0.206692	0.786044
GLI1	0.304226	0.493394	0.697597	0.336176
ATF7	3.34676	3.90858	0.22388	0.917325
STX4	51.0409	69.3093	0.441395	0.13237
MRPS14	11.1514	10.4153	-0.0985216	0.933023
PRR13	94.3758	100.34	0.0884126	0.942116
C17orf85	2.76118	2.76544	0.00222766	0.998564
PRR14	31.3302	32.517	0.0536409	0.976198
NR4A2	0.376122	0.494669	0.395261	0.68423
SMC4	7.00013	7.575	0.113864	0.913628
ZNF259	38.9114	43.2311	0.151876	0.834859
AGAP1	3.16741	2.24319	-0.497749	0.102638
PNPLA2	72.0986	73.7157	0.0320002	0.986822
CIDEB	1.62986	3.69707	1.18163	0.0963541
ATAD1	11.0158	8.43559	-0.385011	0.243837
YWHAH	63.5845	86.547	0.444807	0.119771
USP12	6.59752	6.69509	0.0211787	0.991767
SERINC1	18.8681	8.5456	-1.14269	0.00134142
CDPF1	5.40688	3.16148	-0.774197	0.0515434
TTC31	6.00973	4.41467	-0.444995	0.654565
BRD7	27.3541	26.4324	-0.0494494	0.977995
MSRB1	26.8873	41.4281	0.623686	0.0240561
STAU2	7.42883	4.68213	-0.66597	0.0194494
HNRNPK	197.587	175.266	-0.172936	0.80896
TPRN	51.0911	56.8642	0.15445	0.828589
GTPBP3	20.2175	41.004	1.02016	0.00134142
SLC9B1	0.206256	0.117064	-0.817131	1
SYBU	7.25565	6.22706	-0.220553	0.732063
TAPT1	2.30675	1.96031	-0.234784	0.733942
HNRNPA1L2	8.8406	8.10526	-0.125286	0.908114
DNAJC14	10.7211	10.9572	0.0314228	0.992353
CRNKL1	5.28145	4.58163	-0.205072	0.732283
RAB1A	44.2031	44.123	-0.00261586	0.998558
ORC2	3.41284	3.68493	0.110666	0.931471
MYO1B	10.4005	9.06033	-0.199023	0.720847
TMEM38A	1.95271	2.92594	0.583424	0.287139
CTSA	59.9414	56.3552	-0.0890061	0.950929
C17orf97	6.56651	8.21635	0.32337	0.571197
ANO10	8.32321	5.76412	-0.53004	0.101849
TPGS1	17.7237	19.5965	0.144916	0.924371
FAM213B	21.6132	37.3562	0.789437	0.00337323
PEX26	7.86937	7.29467	-0.109405	0.922006
PLAT	1.09987	0.493985	-1.15479	0.0200038
FAM192A	17.5039	15.3081	-0.193385	0.742477
PRPF4	17.3338	31.6636	0.869237	0.00134142
BACE1	2.94807	2.51641	-0.228408	0.79185
EARS2	10.3353	12.2451	0.244623	0.607184
RB1	5.64106	3.46353	-0.703722	0.00818401
ZBTB7B	11.017	14.5537	0.401656	0.227355
GRB2	41.6186	51.1415	0.297267	0.431583
ZNF665	0.0180996	0.0161571	-0.163787	1
USP16	5.97866	6.3407	0.0848205	0.952371
GNL3L	3.48755	5.39386	0.629105	0.0183825
USP32	3.90777	2.46301	-0.665922	0.00882987

TUBB4B	867.527	1874.55	1.11156	0.00134142
YWHAG	38.9751	55.4501	0.508638	0.0730091
SMARCA5	9.38899	9.87122	0.0722589	0.958902
KDM4C	3.09484	1.93257	-0.679349	0.0370005
AP1M1	19.0924	20.495	0.102275	0.92856
TRAPPC5	210.64	235.929	0.163572	0.812903
TFIP11	12.9618	14.7945	0.190787	0.849027
TWISTNB	5.19358	7.02659	0.436095	0.165739
ATG13	12.5244	7.74989	-0.69249	0.00425224
EED	13.1912	15.8896	0.268514	0.559022
WDR16	0.0678078	0.0461838	-0.554065	1
WARS2	5.60312	4.03892	-0.472262	0.175368
ITSN2	1.33552	0.913304	-0.548232	0.157978
RAB5A	14.5073	10.1829	-0.510627	0.0708615
TOLLIP	23.4498	24.1493	0.0424046	0.979875
DAPK3	145.767	98.8027	-0.561038	0.0266793
AP3S2,C15orf38,C15orf38-A	13.782	10.6281	-0.374907	0.399303
DNAJB6	75.165	112.673	0.584011	0.0250278
MYBL1	1.09885	1.37486	0.323289	0.578516
MBNL3	0.283725	0.151292	-0.907161	1
ARHGAP21	5.04888	5.44728	0.109574	0.918416
TMEM179B	62.6705	48.2905	-0.376048	0.318543
FAM207A	88.5439	84.3945	-0.0692445	0.961224
ODF2	20.8538	19.0706	-0.128961	0.896051
CLP1	11.782	15.6751	0.41189	0.222289
SMAD5	3.70106	4.16431	0.17014	0.809901
LMO2	2.68373	0.915863	-1.55103	0.00134142
SRSF9	315.653	304.176	-0.0534352	0.978196
C19orf43	295.69	437.129	0.563971	0.0322484
SCFD1	8.05486	7.33251	-0.135553	0.893663
ARF5	323.237	318.84	-0.0197599	0.992797
DLG3	7.56541	4.72899	-0.677887	0.0120701
SCYL1	48.6491	58.0421	0.254687	0.623055
IARS2	28.5146	21.4877	-0.408191	0.663653
OR51B5	0.548253	0.353039	-0.635014	0.749348
PSMA6	153.787	160.629	0.0628003	0.966442
MYH14	5.37316	3.76889	-0.511629	0.111788
COQ9	32.0958	24.2942	-0.401774	0.615326
MFAP1	17.0556	19.5578	0.1975	0.735667
EML4	5.00255	5.98854	0.259541	0.552496
TANC1	1.89701	2.23074	0.233794	0.694316
UQCRC10	94.2724	118.487	0.329826	0.331712
TMCC04	5.38111	4.46043	-0.270721	0.66067
CMIP	8.9401	6.34694	-0.494228	0.105061
ARHGAP11A	6.06892	9.89077	0.704642	0.00337323
NFRKB	5.90764	6.6675	0.174563	0.802478
TAF4	4.59556	4.75589	0.0494746	0.979875
ZNF770	7.72287	7.84732	0.0230631	0.990994
XPNPPEP3	4.47739	3.33861	-0.423408	0.494676
C11orf24	22.0922	34.078	0.625306	0.0178668
PNPO	13.2739	11.8073	-0.168913	0.81297
ACYP1	14.8162	13.4909	-0.135189	0.918898
IKBKAP	5.00336	5.99379	0.260571	0.565086
SMUG1	35.5398	34.1616	-0.0570565	0.979701
CANX	87.7307	81.5035	-0.106221	0.92385
NUDT4	16.4683	19.8686	0.270794	0.524575
MYBBP1A	26.8433	55.2608	1.0417	0.00134142
KRI1	21.2052	33.739	0.670001	0.0278845
RALY	48.7885	48.3428	-0.0132395	0.995302
UBE2D1	10.5531	8.33956	-0.33962	0.358687
UPRT	6.17866	3.37291	-0.873302	0.00134142
IDH1	14.005	12.2251	-0.196091	0.74929
GEMIN2	9.26814	8.6101	-0.106249	0.936256
TTC27	7.92293	9.28184	0.228376	0.688314
CCDC34	8.8315	9.76054	0.144303	0.882845
BIRC2	14.3284	11.9389	-0.263202	0.564234
WBSCR27	12.8186	4.85739	-1.39999	0.00134142
PAXIP1	6.0442	6.243	0.0466879	0.979701
KIAA0753	1.91738	2.46465	0.362247	0.920028
TBC1D19	1.8666	0.740349	-1.33413	0.00134142
PDHX	10.2052	8.40137	-0.280608	0.721548
FAM83H	33.5177	53.3515	0.670605	0.00134142
TEAD4	46.7544	42.8091	-0.127182	0.892082
LMBR1	8.64327	8.26931	-0.0638097	0.966946
BBS1	3.304	2.3165	-0.512264	0.197629
ITGB1BP1	30.1647	43.2734	0.520617	0.0547855
USP21	15.7351	12.5871	-0.322041	0.422286
NXT2	2.03048	1.92918	-0.0738327	0.976214
PPIL4	7.77536	6.7069	-0.213263	0.721117

KCNJ1	0.0293983	0.0030038	-3.29087	1
UBXN11	11.7114	9.62519	-0.283033	0.654699
SMYD5	22.9446	31.3296	0.449372	0.111788
AQP3	0.131045	0.410534	1.64744	0.0757506
MARCH7	13.3802	9.78966	-0.450765	0.130193
CAPNS1	276.637	282.45	0.0300018	0.987693
FAM86HP	1.06818	0.327067	-1.70749	0.00593755
GGA1	30.666	32.2556	0.0729089	0.95835
HSPA12A	1.59479	1.69463	0.087601	0.959465
CITED2	7.24239	6.20536	-0.222951	0.772843
LOC100507118	6.39504	6.99942	0.130282	0.978196
WDR43	21.7802	27.8659	0.355487	0.271404
PSMD4	169.989	121.157	-0.488562	0.0875912
PLEKHA3	6.30742	5.22641	-0.271228	0.872554
UBALD1	47.6311	48.1742	0.0163566	0.99351
C16orf87	2.91179	2.30362	-0.338004	0.647944
WDR89	3.13062	3.93298	0.329175	0.466097
B4GALT5	10.7027	18.0401	0.753226	0.00134142
ZDHHC11	3.44098	4.05274	0.236079	0.757993
DBF4	6.54842	7.86692	0.264651	0.619995
NEK7	2.98627	2.37098	-0.332858	0.475849
MAPK13	14.1898	9.60928	-0.562349	0.0278845
HAGH	40.4901	31.7438	-0.351092	0.328386
SCARF1	0.594549	0.424905	-0.484657	0.594881
MTA1	44.6357	33.2661	-0.424148	0.156997
C16orf93	2.64863	3.37831	0.351054	0.979701
AK7	0.129888	0.0476293	-1.44735	1
CEBPG	22.4368	11.4744	-0.96744	0.00134142
IKBIP	13.3255	13.9443	0.0654902	0.974044
MMGT1	7.26746	8.29557	0.190889	0.759967
GOLGA1	5.32754	3.13711	-0.764033	0.00818401
NPM2	21.4154	24.5668	0.198066	0.78079
NOP2	31.1934	56.5957	0.859451	0.00134142
LEPRE1	18.1786	20.9778	0.206623	0.719967
C9orf85	8.39857	5.33677	-0.654176	0.0504457
GLIS2	12.7644	10.3809	-0.298188	0.493853
MOGS	47.4898	68.0549	0.51908	0.0439989
GPD1	0.116276	0.0833941	-0.479536	1
MBD1	14.9869	14.6544	-0.0323716	0.987693
CLASP2	2.32192	2.40341	0.0497671	0.979701
NOL11	17.7705	27.5536	0.632755	0.0139368
SIGMAR1	152.876	140.861	-0.118089	0.903682
FANCE	14.741	14.297	-0.0441276	0.980533
GGACT	1.50416	0.930636	-0.692664	0.496089
CDK11A,CDK11B	15.897	20.9345	0.397128	0.428623
SMIM12	5.91605	9.64154	0.704629	0.00743393
CASP6	12.9014	9.99008	-0.368965	0.366116
MRPS34	185.253	268.875	0.537443	0.0451064
EFNA5	1.17333	1.2003	0.0327847	0.990324
NUAK1	1.22676	0.545311	-1.16971	0.00134142
EFNA3	35.8609	49.246	0.457594	0.13292
PHC2	135.56	98.8921	-0.455	0.113208
LMTK2	3.91813	4.21112	0.104038	0.926717
HECTD1	3.43871	4.5386	0.400381	0.208364
B4GALT7	34.281	25.6112	-0.420632	0.192415
C16orf70	5.44605	7.36417	0.435312	0.407326
TMEM238	23.1225	28.9369	0.323612	0.725998
ZNHIT6	5.38351	6.80975	0.339055	0.33121
CDV3	37.8284	50.6147	0.420087	0.16323
RBBP9	2.98137	2.10729	-0.500582	0.173163
KCNMB3	0.685422	0.686075	0.00137436	0.999427
TEAD3	12.1156	15.0399	0.31193	0.440376
RANBP10	5.38846	3.74672	-0.524242	0.0780546
DUS1L	61.6911	95.07	0.623928	0.0162707
SAPCD2	55.767	109.33	0.9712	0.00134142
NUS1	11.6892	18.1951	0.638377	0.0126858
TTC14	1.55399	1.64326	0.080576	0.969963
DDX3X	30.2025	44.5978	0.562307	0.0382315
DARS2	6.46856	5.63622	-0.198716	0.771183
NLRC4	0.150773	0.195499	0.374783	1
FAM86FP	1.69282	0.698958	-1.27616	0.00672555
MAPKAPK5	11.6563	11.3831	-0.0342079	0.990324
METTL2B	6.47141	7.43743	0.200726	0.77038
BUB1B,PAK6	18.4192	22.7996	0.307801	0.461438
FARS2	8.51547	7.21786	-0.238515	0.717812
NDUFA4L2	1.78928	1.06091	-0.754073	0.947247
MAP3K8	1.0907	0.890366	-0.292782	0.771183
BCAS4	27.1226	22.3018	-0.282336	0.556174
CNPY3	59.1512	57.0993	-0.0509355	0.976618

FAM22A	0.797214	0.662297	-0.267488	0.844285
CCDC88C	3.56158	3.6969	0.0537973	0.977696
MKRN2	10.6599	7.69508	-0.47018	0.624281
COX14	63.5196	71.7142	0.175057	0.806043
FAM101A,ZNF664,ZNF664-	18.9248	20.4931	0.114858	0.906484
NAP1L5	1.2069	1.64081	0.443096	0.819513
MLST8	79.0269	67.1067	-0.235887	0.628339
GPR89A	4.81435	6.07666	0.335938	0.485249
PLK1	67.7871	93.5918	0.465371	0.106054
NANS	129.543	167.455	0.370339	0.407986
SLC13A3,TP53RK	6.58033	10.955	0.735352	0.00337323
RPS6KA4	40.4603	69.7297	0.785267	0.00134142
CP	1.62169	0.812551	-0.996966	0.0615558
ZFR	7.34685	8.20415	0.159227	0.825067
ZNF544	4.69604	5.66088	0.269582	0.588607
MDP1,NEDD8,NEDD8-MDP	302.138	318.731	0.077133	0.954188
EIF5	23.9412	32.6223	0.446366	0.124319
VRK2	2.49607	1.52977	-0.706341	0.671358
CBR4	4.9008	3.17416	-0.626639	0.0283563
KAT8	22.8643	22.3178	-0.0348991	0.986529
ZNF175	1.57309	1.14894	-0.4533	0.33121
EML5	0.210282	0.331362	0.656082	1
NDUFB1	183.679	188.371	0.0363867	0.985283
HSDL1	6.28941	5.99739	-0.0685896	0.966227
ATP5E,SLMO2	738.451	894.47	0.276532	0.649554
DYNC1H1	21.08	16.4192	-0.36049	0.278127
MCTP1	4.79504	1.03872	-2.20674	0.00134142
TPRA1	50.7715	47.7283	-0.0891742	0.946765
PPIC	13.8596	14.062	0.0209136	0.993379
BRAT1	22.1876	32.5277	0.551912	0.0410573
LRRC8D	6.3001	6.57559	0.0617465	0.972787
EMP1	43.9892	50.6958	0.204717	0.720195
HPS3	2.95898	1.36202	-1.11935	0.00337323
TMEM248	18.0362	22.0573	0.290361	0.455614
ATP6V1B2	33.7611	23.7851	-0.505299	0.0599768
NDUFS3	104.899	117.584	0.164694	0.903932
ANXA5	272.683	280.518	0.0408706	0.981753
LRP5	12.6758	14.6336	0.207207	0.716166
PTMA	1206.42	1541.82	0.353893	0.343608
TNIP2	51.1005	61.9642	0.278098	0.505225
RAPGEF2	1.68248	1.16106	-0.535145	0.129674
MBD4	8.51977	11.1314	0.385743	0.50726
GNA12	7.71637	11.03	0.515433	0.0671701
CCDC113	1.22961	0.5429	-1.17944	0.00337323
TUBG1	45.0495	75.978	0.754071	0.030165
VPS37A	3.4214	3.32907	-0.0394683	0.987334
SLC25A15	5.10403	7.96352	0.64177	0.0245451
ACHE	5.09208	6.2176	0.288102	0.651966
WBP5	48.3968	42.4131	-0.190399	0.751467
IRF4	0.0662182	0.0160639	-2.04341	1
SEC11A	172.578	162.058	-0.0907333	0.940072
MOB3A	10.2445	11.9863	0.226534	0.686575
MTA3	12.2188	7.53388	-0.697632	0.0101293
STX12	10.6403	7.71901	-0.463053	0.129076
AOC3	0.886221	1.62851	0.877817	0.0326415
PARP4	14.6627	8.74207	-0.746105	0.00243047
SEC23IP	3.10748	4.3371	0.480985	0.109667
CDKL3	0.708913	0.488923	-0.536002	0.532823
USP33	6.55841	4.18365	-0.648583	0.0145499
ITSN1	1.60034	1.50251	-0.0910013	0.958915
CD2AP	5.81924	5.82273	0.000864826	0.999427
TTC13	1.46744	1.76736	0.268295	0.729713
ATP6AP1	70.3331	61.1923	-0.200854	0.721725
ARL14EP	5.84397	5.72147	-0.0305631	0.989748
UVRAG	1.63222	1.4935	-0.128139	0.925701
PIN1	94.8606	96.5062	0.0248131	0.990324
TAX1BP1	13.8671	10.3195	-0.426293	0.158976
IL32	392.553	612.298	0.641348	0.0145499
NEK11	0.529758	0.390761	-0.439046	0.869885
C1orf122	69.9856	141.42	1.01485	0.0288382
MAP2K4	6.09786	6.81433	0.160269	0.830321
ADAMTS17	0.0728166	0.131525	0.852997	1
FAM3C	21.7225	27.6638	0.348807	0.30221
GEMIN7	26.5277	33.3834	0.331634	0.372359
HOXB13	1.87069	1.07984	-0.792752	0.0755921
GNP2	26.9502	27.6658	0.0378043	0.985921
RPL36AL	605.939	859.942	0.505066	0.072702
DSP	2.47355	2.22163	-0.154963	0.855173
TRMT10C	25.9954	41.126	0.661795	0.00743393

MCEE	4.37135	2.94168	-0.571439	0.281145
ELOF1	108.733	175.919	0.694126	0.00593755
OFD1	5.45348	3.46671	-0.65361	0.0274653
NELFE	79.7713	79.3039	-0.00847898	0.997036
RHBDF2	5.57912	6.41037	0.200369	0.806888
CYBA	387.464	427.749	0.142701	0.852163
TRIT1	15.3815	14.3303	-0.102131	0.930157
SEC63	5.49505	4.76265	-0.206366	0.716391
NEK1	1.11093	0.720722	-0.62426	0.100814
MMP1	0.200197	0.15668	-0.353601	1
REPIN1	108.681	121.951	0.166202	0.80896
NDNL2	18.3188	21.3297	0.219537	0.700083
PITPNB	19.1595	30.9548	0.692106	0.00509212
TXNRD2	24.0497	20.3442	-0.241402	0.895414
SNAI3-AS1	1.23984	0.939741	-0.399822	0.898711
ARHGAP1	19.9635	16.6565	-0.26128	0.563286
GTDC1	1.28936	1.22942	-0.0686826	0.979701
UBE2G2	21.0104	36.0077	0.777202	0.00134142
MAPK6	7.78809	5.51881	-0.496912	0.0906031
GLYR1	12.2085	16.8631	0.465991	0.102638
DHX33	9.36404	13.7674	0.556049	0.0345327
SF3B5	301.847	441.485	0.548546	0.0336095
NDFIP2	7.05449	7.38712	0.0664704	0.963669
PIGP	32.1986	15.7357	-1.03296	0.00134142
LTV1	15.1198	24.2538	0.681772	0.009453
UBA5	10.7466	9.51797	-0.17516	0.877187
ARPC3	301.684	295.768	-0.0285748	0.988166
COX5A	352.204	365.079	0.0517953	0.976618
PALD1	9.99733	11.3797	0.18685	0.771183
KRR1	17.9901	25.8351	0.522129	0.277735
MXD1	6.81571	4.00123	-0.768421	0.00337323
ARFGAP2	27.2986	21.3348	-0.355616	0.450569
UBE2D3	121.362	122.037	0.00799912	0.997036
LIN54	2.08493	1.26872	-0.716621	0.0178668
PHRF1	9.37951	14.6676	0.645051	0.0150729
POLR2E	85.715	100.35	0.227417	0.713826
OSTF1	17.8325	15.4839	-0.203745	0.748077
RFK	10.9588	17.3046	0.65907	0.00818401
UBA6	6.8392	5.15439	-0.408027	0.195403
CHPF2	38.2596	50.1297	0.389846	0.582224
PLS3	12.2069	8.81191	-0.47017	0.109152
IGF2BP3	5.67156	4.15322	-0.449515	0.162979
KPNA6	8.66326	11.0829	0.355355	0.286255
MARK2	11.565	16.1903	0.485366	0.0841079
ZFP64	6.39078	5.08699	-0.32918	0.491932
HIP1	4.1893	3.57376	-0.229268	0.672055
TRRAP	5.74769	6.34816	0.143356	0.851335
SFR1	4.96896	2.68887	-0.885946	0.0156972
C5orf15	11.8669	11.1457	-0.0904557	0.945602
CENPO	4.00666	6.63253	0.727158	0.441752
CPOX	11.2069	13.6453	0.284018	0.503201
SLC29A2	14.4147	24.8396	0.785101	0.00243047
LIN9	1.72314	1.59529	-0.111216	0.949783
VPS37C	14.2069	9.52737	-0.576445	0.0463932
METTL13	12.597	25.5044	1.01767	0.00134142
METTL4	1.88751	1.90444	0.0128809	0.996079
USF2	99.3323	82.5276	-0.267386	0.525846
ZNF444	24.3068	25.9296	0.0932404	0.945946
SYNJ1	0.707065	0.711721	0.00946848	0.997036
TEX2	2.18182	3.91272	0.842635	0.00593755
SH2B2	16.4862	18.8533	0.193559	0.81342
MAP4K4	7.50088	8.21735	0.131613	0.880508
YEATS4	26.6525	18.0647	-0.561099	0.0501327
C2orf49	9.11648	8.21565	-0.150103	0.90314
EIF3M	131.219	117.31	-0.161656	0.841179
ARL6IP6	5.53178	2.88248	-0.940434	0.00134142
ARC	5.26573	7.49726	0.50973	0.193505
MKNK2	53.7053	51.9421	-0.0481585	0.979701
FBXW7	3.11704	2.99913	-0.0556334	0.979701
TMED10	27.6163	24.1458	-0.193747	0.735396
SLC16A10	1.44363	1.79422	0.31366	0.678791
LOC284412	0.393093	0.318895	-0.301788	0.874203
SREBF2	32.7714	25.7314	-0.34891	0.293234
PEX11G	3.05219	0.882619	-1.78998	0.00672555
ZNF274	0.0751275	0.0291918	-1.36378	1
FOXD1	98.895	44.3163	-1.15806	0.00134142
ALKBH6	19.4008	14.6266	-0.407522	0.3703
ANAPC15	23.8774	28.7358	0.267206	0.945946
WIPI2	28.5336	24.7882	-0.203008	0.712918

MDN1	0.738793	0.996726	0.432026	0.233946
SRGAP2,SRGAP2C,SRGAF	5.08031	4.07675	-0.317497	0.529626
AP3M1	6.88226	7.55418	0.134394	0.876336
PMS1	3.76972	4.50019	0.255529	0.913628
TRAIP	6.99379	7.2827	0.058398	0.977103
MSL3	14.7955	11.0449	-0.421779	0.192879
GPATCH2	0.908554	0.891635	-0.0271193	0.99351
DNASE1	0.603685	0.699438	0.212399	0.993379
FLAD1	32.0922	52.7721	0.717551	0.00337323
APLP1	16.3264	14.1574	-0.205654	0.746092
POLR3B	1.03529	1.54631	0.578802	0.528068
LRFN3	12.2223	13.2571	0.117254	0.92969
CDC37L1	6.87076	5.77378	-0.250954	0.68423
RFX7	1.94905	1.83577	-0.0863843	0.95534
ATP5C1	230.235	234.624	0.0272402	0.989365
MAF1	218.937	220.704	0.011595	0.995709
FAM101B	0.146299	0.103003	-0.506241	1
BCS1L	26.3038	30.1298	0.195915	0.753148
MPHOSPH10	9.07803	12.4663	0.457582	0.13673
FADS3	67.8069	73.5497	0.117288	0.903932
PDCD1	0.119431	0.117053	-0.0290136	1
TCP10L	0.827467	1.59624	0.947901	0.0357572
SAP25	1.41106	2.21191	0.648514	0.476222
ZNF787	78.0407	69.8669	-0.159618	0.827026
MAFA	5.64837	5.47976	-0.0437211	0.987693
ALG2	17.3233	18.5894	0.10176	0.922712
GUF1	8.33242	7.12023	-0.226812	0.660278
ZMYM4	3.57911	3.04422	-0.233528	0.66311
RASGRF2	0.0725234	0.0544053	-0.4147	1
PRPF6	32.7686	32.499	-0.0119172	0.995326
ZFAND6	27.4585	21.9265	-0.324579	0.384628
GATA4	7.67067	11.3178	0.561169	0.0668932
PTBP3	9.73362	9.66428	-0.0103138	0.997036
AP5S1	6.30233	6.91613	0.134081	0.920064
B9D1	29.8127	22.2855	-0.419821	0.633936
CD47	7.67689	6.84639	-0.16518	0.813105
MRP63	30.1617	34.6386	0.199659	0.851892
LAMTOR1	104.862	108.269	0.0461269	0.987693
DDX11L2	0.487517	0.495896	0.0245854	0.998342
AFG3L2	36.0455	39.3851	0.127831	0.885737
EDEM2	11.3093	9.59655	-0.236919	0.701805
EIF4G3	3.4033	3.34929	-0.0230813	0.991767
C17orf51	3.47833	4.10476	0.238903	0.652768
TOMM70A	19.3104	18.9234	-0.0292054	0.987858
CRYZL1	5.26827	4.06979	-0.372376	0.430764
DEDD	21.4179	20.2102	-0.0837323	0.986822
ZCCHC8	5.0719	3.94559	-0.362286	0.337233
SCAP	28.2613	34.7079	0.296433	0.429337
SUCLA2	7.4249	8.90517	0.262271	0.612792
PDE4DIP	0.573498	0.546421	-0.0697755	0.979701
TOR1B	19.9308	24.8969	0.320965	0.373076
FLJ37035	0.107745	0.0192354	-2.48579	1
TSPO	414.293	425.828	0.0396163	0.984003
PI4KA	14.2288	13.4996	-0.0758956	0.959465
PNRC2	40.4652	32.5849	-0.312478	0.386954
STEAP1	10.3951	12.6365	0.281704	0.572301
FAM185A	1.98031	2.36743	0.257594	0.757584
AKTIP	7.08944	4.32032	-0.714534	0.128873
NOP14	24.4427	28.2342	0.208042	0.734977
MRAS	1.51728	1.0463	-0.536194	0.231628
RMND5A	4.55753	4.3329	-0.0729207	0.984033
MZT1	16.2345	13.4763	-0.268632	0.541415
AARS	43.4449	16.7578	-1.37436	0.00134142
CAB39	9.40553	9.89589	0.0733213	0.959465
LNX2	1.51192	1.49337	-0.0178075	0.99451
KRBOX4	4.09769	2.26945	-0.852468	0.00882987
TMCO1	14.046	15.9268	0.181296	0.767185
GANC	0.53267	0.525137	-0.0205491	0.994978
MTMR14	23.6714	22.6481	-0.0637521	0.967811
XRN2	22.2329	24.1005	0.11637	0.906895
C3orf37	39.7899	42.8334	0.106335	0.921977
HIST1H4I	1.12935	1.18892	0.0741583	0.996631
IMPG2	0.0222804	0.00756008	-1.5593	1
DDX51	9.06739	13.5557	0.58014	0.0274653
PLEKH02	5.21533	6.15258	0.238432	0.692443
EVI5	1.64825	1.77359	0.105731	0.935939
MRPS26	144.966	269.111	0.892489	0.00134142
WASH7P	10.6319	6.55361	-0.698043	0.0297125
EEF2K	5.24778	5.36332	0.0314191	0.987693

SHD	0.471778	0.20309	-1.21599	0.194171
SSR2	348.881	368.075	0.0772647	0.954559
NR2C1	5.35065	3.91612	-0.450287	0.212535
ISY1,ISY1-RAB43,RAB43	21.8884	25.2711	0.207325	0.708293
C10orf35	26.3588	26.9115	0.0299348	0.988571
SDF4	93.1542	119.739	0.362203	0.267105
ARL8B	22.3333	19.497	-0.195949	0.725998
SLC10A5	1.23941	1.28182	0.0485467	0.988657
GTF2A2	29.0035	37.7998	0.38215	0.231628
CNBP	126.598	141.571	0.161275	0.827507
KAT7	9.60248	6.08756	-0.657542	0.0205623
SP140L	4.14435	4.957	0.258319	0.660482
BROX	1.10064	0.816044	-0.431623	0.629486
POLR2C	52.7188	63.554	0.269664	0.61078
PLEKHA8P1	2.20167	1.80752	-0.284583	0.959465
AUP1	190.619	238.964	0.326105	0.508719
RRN3P3	1.00775	1.26659	0.329817	0.739348
GSTO1	593.2	459.062	-0.36983	0.281159
RTN3	57.3234	50.4124	-0.185344	0.760508
NIN	3.54799	3.81478	0.104596	0.933116
LEF1	7.45744	8.33216	0.160012	0.846441
VOPP1	26.1642	26.145	-0.00105469	0.99926
MCAT	18.7383	27.6799	0.562849	0.0414844
ARF3	47.5227	52.1594	0.134309	0.870017
PITRM1-AS1	0.419029	0.343624	-0.286221	0.977531
ZYX	373.417	349.811	-0.0942124	0.938194
IMPDH1	106.18	190.937	0.846582	0.00134142
ATL2	11.8826	12.5269	0.0761788	0.9582
SH3BP2	7.11709	9.40784	0.402576	0.194995
IPO11,LRRC70	8.98577	10.3646	0.205945	0.754842
TGFB3	1.84303	1.1959	-0.623982	0.150383
CDR2L	17.2438	21.8047	0.338561	0.349638
SYTL4	0.910968	0.731225	-0.317084	0.693347
C21orf91	1.35418	1.14752	-0.238899	0.767427
UCP2	62.0905	49.786	-0.318633	0.395325
PTCH1	1.75329	1.48649	-0.238157	0.721145
ZMAT5	35.5234	29.2042	-0.282591	0.548694
SMKR1	6.03536	5.09404	-0.244629	0.798172
ENTPD6	38.1012	37.0297	-0.0411559	0.979733
GNAI3	16.031	14.2657	-0.168311	0.798319
PPHLN1	21.2733	20.006	-0.088608	0.952469
CS	69.4429	71.9083	0.050331	0.977531
NFXL1	3.6452	3.03187	-0.265789	0.617363
RBM26	6.61839	9.0753	0.455464	0.128214
CDK1	42.2824	42.5291	0.00839216	0.997036
EFR3A	5.15127	5.97924	0.215035	0.703835
FAM189B	60.1776	50.3544	-0.257109	0.551816
RBM22	22.8951	19.6767	-0.218549	0.674163
HDGF	182.39	205.845	0.174534	0.797849
CCT4	107.486	112.2	0.0619293	0.969963
PPP4C	160.011	176.245	0.13941	0.86583
ANKHD1,ANKHD1-EIF4EBF	32.9412	25.7306	-0.356412	0.754185
LYPD5	0.45446	0.331616	-0.45464	0.672475
ZEB1	3.09072	3.44364	0.155993	0.845726
B4GALT3	35.4345	45.2818	0.353775	0.296942
HN1L	21.5316	33.9838	0.658395	0.00882987
TACC1	3.3358	3.75502	0.170785	0.816338
NOC3L	8.28555	8.45813	0.0297401	0.988154
DIS3L2	4.49004	4.517	0.0086353	0.997036
MSMO1	22.4983	31.18	0.470805	0.102329
NGFRAP1	101.165	71.3139	-0.504459	0.0757506
METTL16	4.61495	7.6107	0.721714	0.00425224
SMIM7	30.4643	31.8679	0.0649842	0.966946
USP22	38.4723	37.1094	-0.0520347	0.976214
HOXC4,HOXC5,HOXC6	11.8852	14.9016	0.326291	0.531475
USP8	4.75859	3.55734	-0.419735	0.201532
MNAT1	23.25	18.7285	-0.312001	0.420042
RAB5C	82.6031	110.854	0.424398	0.14958
KIF13B	1.72448	1.10849	-0.637566	0.0455504
ZNF213	9.29331	7.58576	-0.292899	0.567276
DCAF6	5.58332	3.83091	-0.543435	0.428495
CPSF6	9.81837	10.7978	0.137176	0.862644
TMEM222	38.7547	54.0266	0.479298	0.0909525
FLYWCH1	16.9853	15.2971	-0.151025	0.83713
MAP7D1	41.6088	60.018	0.528506	0.049309
FUCA2	48.7552	43.5616	-0.162498	0.81082
RHBDD2	47.2508	69.5266	0.557225	0.0410573
TCEAL4	51.2677	48.1672	-0.0899977	0.938444
CMTM6	14.3656	17.6439	0.296555	0.435505

FTSJD1	5.21952	5.20826	-0.00311681	0.998514
LAMTOR2	96.6729	101.494	0.0702153	0.961224
AHRR,PDCD6	88.5985	108.519	0.292588	0.468622
MT1L	1319.43	1395.19	0.0805532	0.952469
C19orf60	61.2716	47.8652	-0.35624	0.380054
MT1M	226.827	292.081	0.364774	0.277325
ZCCHC17	15.0881	19.5887	0.376611	0.274963
CALCOCO2	13.5402	6.32652	-1.09776	0.00134142
SH3D19	3.49354	1.53028	-1.19089	0.00134142
ZMYND11	5.96294	7.29887	0.29165	0.489555
BBIP1	9.75124	5.39832	-0.853074	0.135336
USP46	1.28183	1.63771	0.353479	0.41685
GALNT10	2.16345	3.53588	0.708734	0.0126858
MET	8.84458	5.00398	-0.821716	0.00134142
TMED2	85.6926	90.4151	0.0773923	0.954677
AP4B1	6.80042	6.52087	-0.0605598	0.974044
SDHB	127.221	122.453	-0.0551106	0.974044
C14orf159	7.38984	5.30171	-0.479085	0.174284
RUSC1	26.0962	40.8457	0.646348	0.389738
FBXL19	11.0508	18.1694	0.717365	0.00425224
NSRP1	7.91937	6.79955	-0.219947	0.711382
UBC	571.984	492.462	-0.215963	0.716391
CADM1	6.52483	4.66803	-0.483127	0.108427
MOV10	34.0717	28.4242	-0.261455	0.548189
PLCG2	2.8079	1.43453	-0.968909	0.00337323
PRDM4	10.9343	10.1164	-0.112159	0.912767
EPHA10	0.777846	0.643046	-0.274562	0.806888
WWC1	7.4678	9.29882	0.316364	0.400613
SREK1IP1	3.65973	4.63476	0.340758	0.342898
BRF1	16.3746	23.0817	0.495288	0.638068
BRMS1	51.5528	99.4777	0.948321	0.00134142
MYLK-AS1	0.165702	0.224581	0.438644	1
E1F1B	66.1594	38.7008	-0.773582	0.00337323
C4orf21	0.628268	0.427789	-0.554481	0.726592
CIAO1	21.4743	22.7533	0.0834641	0.950929
JTB	162.782	194.735	0.258571	0.822719
NCAPD3	5.39193	6.35904	0.238006	0.637163
YY1	17.5409	22.0777	0.331867	0.365811
UBXN4	16.4173	11.9755	-0.455128	0.115606
SMIM11	18.5405	25.8882	0.481611	0.152398
NHS	0.0221769	0.0100702	-1.13896	1
CHMP2B	17.947	12.2368	-0.552516	0.0386414
UTP3	23.6743	37.9846	0.682092	0.00425224
SERBP1	41.7105	59.0669	0.501938	0.0718958
ATP5I	788.146	967.796	0.296241	0.433739
RBMX	144.195	84.3146	-0.774164	0.00243047
FAM103A1	19.487	21.3785	0.133644	0.912776
E1F4A3	79.4319	131.239	0.724402	0.00134142
STRBP	9.71133	6.97897	-0.476655	0.0873591
HECTD3	10.8077	14.8443	0.457847	0.135879
TNPO1	10.1281	10.2532	0.0177115	0.993379
TRIM37	4.5334	5.74345	0.341325	0.37012
PPP2R5E	4.24753	3.70052	-0.198898	0.796362
FTSJ1	32.0233	43.0471	0.426792	0.148094
PDPK1	2.77821	2.56669	-0.114247	0.92644
TAF4B	1.84304	1.29066	-0.513979	0.186826
WDR74	65.6569	97.723	0.573752	0.0261279
MRPL44	28.3995	28.3567	-0.00217751	0.99862
ANLN	10.2016	13.3161	0.38438	0.244216
CTBP2	15.0496	17.7508	0.238157	0.619929
A1BG-AS1	0.203637	0.179038	-0.185732	1
GNB2	484.085	521.511	0.107436	0.920414
GABPA	2.91326	2.44085	-0.255251	0.942878
CENPK	2.88045	2.03064	-0.50436	0.291655
ZCCHC3	15.3883	16.5531	0.105273	0.926258
DERA	16.9243	9.49339	-0.834098	0.00134142
MTHFS,ST20,ST20-MTHFS	17.7774	23.4758	0.401126	0.590127
MRPL9	70.2411	65.6578	-0.0973501	0.931471
CRK	8.37582	9.2543	0.143894	0.870173
NMNAT1	2.25831	1.70529	-0.405226	0.374382
VPS29	53.2843	45.9295	-0.214287	0.684383
POLE	6.62353	7.45013	0.169664	0.806843
LIMD2	8.66286	10.3735	0.259993	0.753531
ZNF234	1.00791	1.22752	0.284377	0.697898
ATP5J	175.808	211.831	0.268918	0.599424
MACF1	4.51733	3.56512	-0.341519	0.326673
CIRBP-AS1	1.18358	2.65205	1.16395	0.88312
HEATR1	5.95522	7.19147	0.272133	0.70303
PPP2CA	50.7902	59.0611	0.217658	0.671358

OGFR	38.7744	62.056	0.678464	0.00672555
GRPEL2	10.3591	6.74459	-0.619101	0.0231741
EXOSC1	28.2525	21.4995	-0.394074	0.249983
CLCC1	6.1978	4.85322	-0.352816	0.39222
CLDN15	11.9794	12.567	0.0690792	0.975414
OSBPL5	5.05752	2.99793	-0.754463	0.0194494
KRT18	242.954	305.271	0.32941	0.3868
PSMB5	251.791	342.706	0.444749	0.138263
AGAP3	42.1355	61.2157	0.538868	0.0626518
GK5	0.676353	0.525903	-0.36298	0.491042
TMPRSS5	0.413172	0.378685	-0.125743	0.976002
LOC3744443	1.26764	0.510607	-1.31186	0.00743393
MAPK1	10.7228	9.37372	-0.193987	0.849027
ZNF710	7.59957	10.1891	0.423032	0.190086
NCDN	10.8579	19.31	0.830599	0.00134142
SLC19A2	8.81425	5.82569	-0.59741	0.0306129
RBCK1	40.1398	28.1965	-0.50952	0.0688198
NKRF	4.94771	5.13876	0.0546569	0.977332
LPHN1	12.6492	15.6734	0.309271	0.383974
ZNF547	11.0042	8.66682	-0.344474	0.615031
NPLOC4	21.5452	33.4331	0.633909	0.0114515
SPATS2L	8.85697	7.80859	-0.18175	0.775379
CTSD	179.719	149.042	-0.270025	0.600828
FASTKD1	9.736	10.9728	0.172534	0.800595
WDR78	0.126447	0.0630746	-1.0034	1
ZNF689	4.17738	4.64788	0.153975	0.881849
CEP128	0.41174	0.363605	-0.179361	0.919468
AVL9	4.42329	2.05379	-1.10683	0.00243047
SRRD	17.2609	19.3878	0.167641	0.930066
PCTP	9.75138	8.63327	-0.175699	0.82263
DIAPH3	5.89317	3.51675	-0.7448	0.00743393
TMUB1	164.085	182.113	0.150393	0.844123
METTL12	5.77139	6.0989	0.0796304	0.99351
TRIM26	16.844	18.6186	0.144509	0.849892
FAM188A	11.7684	10.1828	-0.208781	0.731681
TOP2B	14.4121	10.7243	-0.426399	0.146251
PI4KB	21.1733	22.6111	0.0947851	0.954677
MTCH2	42.8189	44.866	0.0673744	0.96128
BCR	9.72487	12.6277	0.376843	0.251828
PDCD4	16.3948	6.19374	-1.40436	0.00134142
U2SURP	8.57046	8.32713	-0.0415537	0.980556
RHBDD3	21.2849	22.3516	0.0705491	0.966442
INTS9	11.9021	14.1723	0.251866	0.618966
KIAA1967	39.6609	49.6417	0.323836	0.468662
EPS8	2.59942	1.30298	-0.996377	0.00134142
DHX16	18.3636	19.7307	0.103587	0.947247
EIF5B	14.6651	29.7989	1.02288	0.00134142
LRRC47	32.4304	40.6968	0.327569	0.360906
TMEM2	0.592195	0.718254	0.278421	0.729713
DDA1	11.9046	17.6209	0.565769	0.0455504
LOC100506054	6.1321	6.90549	0.171362	0.895818
PRKCE	1.32017	0.850829	-0.63378	0.0947123
KTI12,TXNDC12	65.8071	66.2913	0.0105746	0.99634
ITPKB	2.10876	2.87269	0.446007	0.226665
MARCH3	0.398309	0.536391	0.429397	0.616434
DLST	47.4163	40.9889	-0.210151	0.688434
SNORA54	18.994	7.68604	-1.30523	0.913628
HMGB3	13.0248	16.5265	0.343512	0.318762
METTL6	4.94736	4.92086	-0.00774739	0.997036
FARSB	27.4689	26.9756	-0.0261456	0.990324
MKKS	14.4817	15.4426	0.0926844	0.947746
CASP8	5.83239	6.18387	0.0844219	0.95492
CELF1	20.183	23.4283	0.215116	0.713826
MRPS23	37.9208	48.9944	0.369629	0.250623
GPN3	23.4997	20.6234	-0.188362	0.874082
SUPT6H	16.5698	18.7757	0.180311	0.771183
LRBA	4.36417	2.23525	-0.965267	0.00134142
BTBD3	2.36111	2.0183	-0.226325	0.748691
RIF1	1.94126	2.40444	0.30871	0.44885
RPAP1	8.22855	5.75107	-0.516809	0.0851035
TOM1L1	7.56803	4.53906	-0.737524	0.2852
FAM222A-AS1	3.47525	8.17601	1.23428	0.00337323
TSNARE1	5.56676	3.06631	-0.860336	0.0318033
PALB2	3.26446	3.50911	0.104263	0.938194
CKS2	478.367	651.157	0.444886	0.138571
ATP5F1	88.6811	87.5528	-0.0184747	0.99351
SIRPA	4.93818	6.90861	0.484417	0.12797
MPDU1	59.2733	98.1094	0.727008	0.00134142
PCNXL2	1.21398	0.706186	-0.78163	0.0205623

XPO5	18.6354	20.5713	0.142594	0.856449
FBXO45	3.93196	4.11732	0.0664552	0.967799
FGD1	11.3819	9.83305	-0.211027	0.721117
TSPAN14	5.16851	5.60318	0.116499	0.912776
ABHD13	1.89606	1.93903	0.0323304	0.988657
DLG1-AS1	0.169853	0.0595385	-1.51239	1
TMEM192	3.31979	1.84748	-0.845531	0.00672555
SEC62	9.24274	9.09617	-0.0230603	0.991351
FNDC8	1.26675	1.44295	0.187891	0.926258
ASL	41.1808	37.9786	-0.116784	0.908114
ARHGAP22	34.4871	26.3432	-0.388624	0.263143
RIPK2	41.5028	25.6013	-0.696988	0.00425224
RSPRY1	2.38496	1.67667	-0.508369	0.297247
NIPA1	5.583	5.92712	0.086289	0.948179
SEC61A2	8.1967	7.14282	-0.19855	0.987858
CCDC57	4.19926	4.79869	0.192506	0.823379
GRSF1	24.7894	24.5728	-0.012665	0.9953
EXT2	23.0539	22.9614	-0.00580387	0.997082
C1orf112	3.27789	2.23637	-0.551609	0.150974
RAD23A	137.104	100.469	-0.448527	0.117401
AP1S1	174.33	199.068	0.191441	0.739331
ANTXR2	11.3057	9.5024	-0.250686	0.574731
ITPK1	34.0643	37.1359	0.124555	0.893663
OTUD5	24.3627	24.1267	-0.0140423	0.994615
ARPC1A	131.65	132.154	0.0055119	0.997082
TMEM141	163.186	130.047	-0.327489	0.354308
PPP1CC	103.73	95.2814	-0.122564	0.902309
CHST7	1.3197	1.44539	0.131249	0.959465
COQ6	19.0086	14.2607	-0.414609	0.257766
MAP4K2	17.4302	11.6812	-0.577404	0.0322484
HDAC4	0.496824	0.603325	0.2802	0.752993
DGUOK	60.6607	63.0969	0.0568055	0.974044
SRA1	33.5782	47.6884	0.506112	0.0780546
C9orf78	65.6772	101.396	0.626544	0.0126858
SETD1B	2.5939	4.37023	0.752584	0.00743393
RAB36	2.83336	3.81636	0.429685	0.310606
PLSCR1	6.23749	4.75977	-0.390074	0.363804
PCNXL3	7.95298	15.8541	0.995287	0.00134142
TMEM167A	8.20625	10.1846	0.3116	0.397286
RCBTB1	4.79238	4.66353	-0.0393214	0.984917
KIFC1	36.317	33.7755	-0.104665	0.921664
TRAPPC12	18.4543	14.9302	-0.30572	0.478049
NUP35	7.04209	8.96317	0.348005	0.42091
ARMC8	3.74648	4.76723	0.347617	0.408328
ATP5A1	288.36	273.615	-0.075726	0.958802
QPRT	0.0924348	0.00826318	-3.48367	1
ADK	18.1021	15.4548	-0.228101	0.654501
NFX1	6.95558	5.28305	-0.3968	0.243837
EEPD1	1.77544	1.68153	-0.0784059	0.970729
UPF1	22.0434	37.9669	0.784396	0.00134142
CPSF4	69.4799	66.6315	-0.0603921	0.990857
GNG12	22.4575	12.7634	-0.815193	0.0743087
MAP1S	23.1757	22.5291	-0.0408197	0.980663
NOSIP	78.7172	88.438	0.167987	0.809313
NDNF	0.0291553	0.00296151	-3.29936	1
GF11	1.73349	1.72487	-0.00719572	0.99714
AS3MT,C10orf32	5.08242	6.74521	0.408347	0.281587
ATXN7L2	8.75511	9.9661	0.186904	0.809759
SUCLG1	51.9601	46.4937	-0.160368	0.817735
CDIPT	57.7908	70.8915	0.294773	0.437263
KCTD17	23.8536	34.2514	0.521952	0.072702
SPATA5L1	10.7269	11.4662	0.096164	0.942472
PDCD10	34.439	25.3347	-0.442929	0.127236
ZHX2	2.30098	2.16234	-0.0896564	0.958902
YKT6	35.2126	65.8685	0.903497	0.00134142
SEC14L1P1	0.334603	0.414934	0.310431	0.98392
RECQL5	6.64144	4.23922	-0.647697	0.0340561
LSM1	39.6012	57.9724	0.549823	0.119072
STXBP6	0.543884	0.29157	-0.899458	0.25971
COPZ1	100.595	89.5766	-0.167368	0.81342
SEC22A	4.69652	3.35088	-0.487055	0.1419
GCH1	6.77275	12.5132	0.885638	0.00243047
INTS4	7.68343	6.84911	-0.165834	0.829181
PSIMCT-1	1.17876	1.55687	0.401384	0.987627
R3HDM4	88.0366	83.7421	-0.0721511	0.958814
LEPREL2	24.2994	27.8199	0.1952	0.744819
HDAC1	70.8745	67.8395	-0.0631405	0.966946
PGM3	5.15717	4.91395	-0.0696981	0.971854
PRPSAP2	21.6728	15.6965	-0.465445	0.143392

GNRHR2	5.16528	11.0949	1.10298	0.0810244
CAMK1D	3.96425	2.61835	-0.598387	0.156549
NPRL3	44.2324	35.1641	-0.331002	0.748064
SH2D4A	3.67316	5.8083	0.661093	0.0314167
CDC42SE2	6.39245	6.27386	-0.0270151	0.990213
AATF	50.6397	62.0807	0.293874	0.445565
TMSB4X	362.864	380.864	0.0698458	0.963669
SH3TC2	0.0856599	0.042532	-1.01007	1
WDR7	0.652544	0.959501	0.556209	0.165169
C16orf52	1.1612	1.10208	-0.0753869	0.973683
ATIC	67.4838	66.4817	-0.0215847	0.991767
TMEM8A	35.498	47.5392	0.421377	0.16034
CLMN	1.37504	0.43947	-1.64563	0.00134142
PIBF1	1.60884	1.47677	-0.123579	0.986822
CD58	8.30005	7.01845	-0.241968	0.729713
UBE2J2	33.6155	43.1396	0.359886	0.285784
SLC41A3	20.355	13.8467	-0.555842	0.0554961
KIAA0100	16.1128	19.4071	0.268377	0.535638
SS18L2	20.9968	32.4685	0.628872	0.224504
SH3KBP1	5.96893	5.08267	-0.231886	0.690388
NAV2	5.68831	2.30804	-1.30133	0.00134142
EIF4G2	107.105	124.405	0.216013	0.688363
WBSCR16	35.6219	48.736	0.452224	0.126498
SMARCA4	34.7067	38.6136	0.153893	0.837677
MARVELD2	0.49588	0.577812	0.220609	0.90907
PEX1	4.48412	2.32072	-0.950252	0.00134142
AK1	56.3008	73.5745	0.38605	0.227784
USP36	8.91676	7.25962	-0.296625	0.460616
CETN3	20.8292	13.2454	-0.653116	0.0167292
DTD1	64.2076	55.8021	-0.202425	0.713152
CNIH4	146.853	121.334	-0.275392	0.507234
ZNF850	1.6125	1.72003	0.0931351	0.951688
THUMPD1	4.28404	5.14626	0.264551	0.571112
MLLT11	0.609328	0.423417	-0.525138	0.525666
POLR3E	9.90878	12.3051	0.312482	0.44093
ARNTL2	3.34939	3.41046	0.0260645	0.990324
CKS1B	188.308	167.945	-0.165106	0.813924
DNAH14	5.46764	4.39163	-0.316162	0.674521
MANF	97.2744	165.348	0.765378	0.00134142
CISD2	7.34043	6.50732	-0.173801	0.788441
TFG	61.7253	53.2718	-0.212489	0.698985
TFR2	18.3421	19.5626	0.0929419	0.942878
BNIP1	16.2486	14.9968	-0.11566	0.926225
SRRT	45.5751	73.3036	0.685639	0.00337323
COMT	48.7018	31.6515	-0.621702	0.131622
EEA1	1.01681	1.26455	0.314575	0.546774
MRPL41	591.866	770.819	0.381121	0.242372
PIGG	6.03784	6.52201	0.111284	0.953101
TMEM189, TMEM189-UBE2I	84.5185	95.1366	0.170734	0.799544
TPX2	31.7114	26.8962	-0.237597	0.62776
TMEM87A	11.1086	10.8581	-0.0329032	0.986822
SKIV2L2	12.4286	11.0519	-0.169373	0.82774
ASXL2	0.518651	0.482224	-0.105061	0.958814
TMEM86B	2.19376	3.04181	0.471523	0.472878
RAP1B	82.5739	69.9114	-0.240157	0.621063
FDX1	8.20137	9.65513	0.235431	0.653639
HAUS3, POLN	1.97685	1.74485	-0.180099	0.826046
NCAPH2	22.9576	22.8939	-0.00400658	0.998526
IFT43	32.3307	21.916	-0.56092	0.0862993
ACACA	4.3168	5.36889	0.314662	0.408933
N4BP2	0.361264	0.233432	-0.630054	0.180647
VPS33A	8.00368	8.99293	0.168129	0.831797
CDS2	5.26897	4.5114	-0.223945	0.658298
KDSR	22.2532	12.5731	-0.823667	0.00337323
CDRT4, TVP23C, TVP23C-CI	9.00781	5.74496	-0.648879	0.0507992
DPY19L3	2.233	2.31243	0.05043	0.979701
NBR2	1.97211	1.26522	-0.640348	0.293861
ARPC2	218.64	246.846	0.17505	0.779342
ETV1	0.679238	0.0860968	-2.97989	0.00134142
RAB11B	98.9149	78.8643	-0.326815	0.363528
ZNF222	3.47189	2.48945	-0.479894	0.294732
RASD1	0.217783	0.119084	-0.870915	1
RIC8A	69.5807	87.4719	0.330131	0.41086
GSR	23.5955	25.4667	0.110097	0.914003
TPM4	258.909	244.787	-0.0809157	0.956382
SMU1	10.3089	10.8747	0.0770928	0.954188
PRR5L	1.40809	1.94831	0.468484	0.300886
NAA10	143.497	190.524	0.40895	0.18135
GGA2	9.9733	9.49344	-0.0711405	0.959885

LRP10	44.3027	37.0845	-0.256577	0.552239
PRPF31	49.2512	69.2542	0.491742	0.0841079
SLC35D1	1.19416	1.49256	0.321793	0.545588
MTG1	29.7301	26.9097	-0.143799	0.882845
HIST2H2BF	1.38824	0.736869	-0.91378	0.809759
SNW1	34.4999	30.2214	-0.191022	0.726892
SLC11A2	7.61125	5.25346	-0.534864	0.0909525
EMC4	99.1127	98.4613	-0.00951391	0.996631
YIPF4	17.2934	8.03989	-1.10498	0.00134142
TMEM251	26.9748	19.8945	-0.43924	0.205713
ETV3	0.532188	0.320777	-0.730366	0.406576
B3GNT2	4.45588	4.79733	0.10652	0.935836
PDHB	31.2418	27.0744	-0.20655	0.714085
MPV17L2	15.5388	50.1506	1.69039	0.00134142
TMEM104	2.1301	7.62417	1.83966	0.00134142
KCNH2	21.5616	20.5682	-0.0680468	0.965735
TAPBP_ZBTB22	35.2535	33.7807	-0.0615675	0.969963
NFIA	1.11999	1.19823	0.0974095	0.951559
NEDD4	1.97154	1.48558	-0.408295	0.297369
RIOK3	10.8349	4.55532	-1.25006	0.00134142
GPR180	1.80639	2.66983	0.563641	0.0539552
ST3GAL2	3.91046	7.3786	0.916009	0.00134142
CBX1	57.0761	52.7087	-0.114847	0.906606
DYNLT1	90.4538	84.2122	-0.103151	0.923672
FAM134C	18.4854	15.4352	-0.260159	0.801827
MYCL1	3.74354	2.57451	-0.540105	0.189409
BEX5	15.5819	10.4754	-0.572861	0.0953833
SRP68	43.9009	48.8191	0.153195	0.834859
CCDC24	7.76718	4.85715	-0.677281	0.619231
PSMG3	65.4625	96.9978	0.567283	0.0326415
NMI	9.92573	13.4518	0.438553	0.211132
KPTN	4.23975	4.80431	0.180349	0.882983
IK	21.0851	18.408	-0.195885	0.744561
WWP2	11.9761	12.3499	0.0443359	0.979965
TRMT2B	3.02288	2.33596	-0.371906	0.468662
NDUFA5	34.8389	29.1223	-0.258578	0.547489
TMEM259	79.2904	96.664	0.285831	0.466674
MOK	7.41011	15.1403	1.03083	0.00134142
FBXW11	8.55978	9.23206	0.109079	0.916876
MTX2	38.6844	23.6214	-0.711653	0.00882987
CD55	19.6139	9.46194	-1.05167	0.00134142
KANSL1	6.64213	4.18673	-0.665823	0.0194494
FAM86B1	3.85449	1.5516	-1.31279	0.00134142
NUP85	26.2658	29.59	0.171927	0.795255
MUM1	9.19306	15.7257	0.774512	0.00425224
USP6	0.196237	0.166171	-0.239932	1
MYO10	6.78874	7.73512	0.18828	0.744986
CDK12	4.80063	6.8439	0.511596	0.0523239
CSRP1	110.988	119.032	0.100951	0.92969
CLIC1	626.01	654.982	0.0652699	0.967714
GLIPR1	15.2884	16.6417	0.122365	0.95534
SAMD4B	11.1034	10.225	-0.118902	0.906464
NRBP1	58.8301	69.5911	0.24235	0.606953
FSD1L	1.05944	0.866025	-0.290824	0.902703
DCLRE1C	3.12642	2.27984	-0.455578	0.219176
ZNF473	3.24328	3.72132	0.198362	0.776309
PSMB4	543.884	574.145	0.0781168	0.954188
SPDYE6	0.339278	0.329425	-0.0425188	1
NDUFA13	626.098	694.894	0.150405	0.844001
SLC39A10	4.05274	4.28894	0.0817264	0.954677
MTPAP	8.22661	9.1867	0.159249	0.826656
BLOC1S2	17.2787	17.2764	-0.000192243	0.999929
UBE2S	588.081	928.991	0.659651	0.009453
CLPTM1	47.4112	61.2325	0.369071	0.247378
GTPBP2	40.2129	14.3018	-1.49146	0.00134142
AFTPH	6.51966	4.80553	-0.440102	0.153355
RNASE7	0.0752951	0.0275253	-1.45179	1
APOLD1	0.252303	0.103654	-1.28338	1
DDOST	200.513	181.273	-0.145534	0.850392
RAD51D_RFFL	13.92	10.5488	-0.400082	0.291092
IER3IP1	44.9539	48.9401	0.122571	0.896051
DSN1	10.0445	9.15854	-0.133218	0.898291
INO80	3.09345	3.50926	0.181949	0.806888
IDI2	8.53389	13.589	0.671167	0.553578
UGT8	3.35589	2.84401	-0.238767	0.727115
PYCARD	0.320967	0.469114	0.547515	0.852548
NME9	0.128289	0.0823946	-0.638772	1
KIAA1737	3.13721	5.48043	0.804808	0.00425224
ING1	6.93189	7.13621	0.0419085	0.984917

ASCC2	22.1043	20.9427	-0.0778817	0.955758
MFN2	10.5536	13.8991	0.397257	0.206979
SCML1	3.43761	3.48803	0.0210105	0.99351
MCF2L-AS1	1.02741	0.662434	-0.63316	0.510627
GTF2E2	24.3657	26.113	0.0999159	0.928909
MESDC1	18.4488	27.2826	0.564452	0.0459324
RRBP1	17.8858	21.1643	0.242825	0.605975
ZNF300	6.40396	6.49557	0.020493	0.993108
LOC100507501	2.45874	0.786391	-1.6446	0.00134142
NRD1	22.9458	17.6853	-0.375678	0.435611
SYAP1	24.5956	24.698	0.00599294	0.997082
PRUNE	5.4808	5.19724	-0.076641	0.961224
MST4	11.6928	10.6446	-0.135497	0.871957
AURKC	0.7848	0.483727	-0.698132	0.421445
ASH2L	9.65454	6.82006	-0.501424	0.100814
CASC4	8.73373	6.84157	-0.35227	0.315951
METTL7B	2.19848	1.3788	-0.673092	0.61004
SIRT7	22.5526	27.1762	0.26905	0.574736
HTRA2	19.7273	23.1837	0.232913	0.952905
BET1	10.3849	6.6373	-0.645816	0.0162707
ELK3	9.36594	8.2775	-0.178229	0.830321
DHRS4L2	12.6347	10.6417	-0.247665	0.699313
REPS1	16.6721	12.2819	-0.440893	0.148094
DLL1	6.85396	6.85961	0.0011888	0.99926
YTHDF2	33.3552	35.6333	0.0953145	0.931816
FTSJ2	19.4126	25.846	0.412945	0.194995
NAA35	9.48611	8.6888	-0.126661	0.898291
ZNF503	8.90196	11.1638	0.326631	0.519452
KDEL2	4.09247	2.60675	-0.650715	0.0278845
IGSF8	19.127	21.9769	0.200377	0.747687
TXLNG	13.0873	14.7224	0.169846	0.794777
KIAA0895	0.489501	0.801044	0.710569	0.877493
PLAC1	0.247866	0.147197	-0.751815	1
PIGM	2.55547	2.82274	0.143508	0.897241
CCDC112	2.15532	1.68878	-0.351923	0.546956
GPX8	15.6809	15.354	-0.030395	0.987896
VAPB	6.94575	6.94292	-0.000587612	0.999427
ECD	11.7952	9.6975	-0.282516	0.530676
PREPL	4.51807	3.00756	-0.587113	0.0326415
SPAG1	3.86672	4.62486	0.258298	0.628471
WHSC1L1	5.7895	4.3543	-0.410997	0.240573
TTC39B	0.469718	0.160084	-1.55297	0.00337323
BMP2K	2.35031	3.53714	0.58973	0.105061
KLC1	18.7975	18.6825	-0.00885489	0.997036
MARK3	21.9785	21.9945	0.00104564	0.999427
RNF144A	2.18257	1.11815	-0.964908	0.00337323
TTF2	4.69496	6.15862	0.391495	0.243457
MUSTN1,TMEM110,TMEM1	5.60137	8.886	0.665755	0.183567
PIGT	69.9584	71.5721	0.0329008	0.986832
NUP205	17.7552	14.4018	-0.302	0.430271
TMEM218	2.65578	1.68733	-0.654395	0.0477866
TM7SF3	10.6924	6.36806	-0.747658	0.00337323
THOC5	26.9378	19.3298	-0.4788	0.0882057
EIF2B1	13.8823	22.2394	0.679868	0.141091
QSOX2	21.5596	25.8801	0.263508	0.535228
OSBP	16.5475	11.0935	-0.576901	0.0245451
C1orf27	3.38095	2.86127	-0.240774	0.915538
SNORA10	47.7145	55.574	0.219983	0.990324
SPTLC1	27.6291	25.9981	-0.0877835	0.95534
CHCHD5	38.3995	30.2205	-0.345561	0.454944
PEX13	3.9618	3.14282	-0.334096	0.443332
GPAM	1.41759	2.02521	0.514629	0.128341
PIAS4	10.8054	9.84654	-0.134064	0.913628
DDX19B	13.3263	8.21031	-0.698767	0.0150729
LGR4	1.24428	1.38765	0.157327	0.89386
HNF4G	0.438156	0.259073	-0.758085	0.150383
EI24	50.8845	69.5527	0.450879	0.108219
FAM86DP	4.99682	4.27243	-0.225956	0.759915
MRPL35	10.2671	12.4373	0.276648	0.604686
KIF3B	2.98894	3.39031	0.181783	0.804229
CCDC84	15.1544	21.1346	0.479875	0.984003
APOL2	4.5589	8.77549	0.944794	0.00134142
PWP2	22.4324	34.6598	0.627679	0.0162707
USP38	3.05961	3.0182	-0.0196599	0.99351
SETD9	3.01957	2.69272	-0.165278	0.961432
SLMAP	4.76997	4.41344	-0.112076	0.922247
WDR25	4.47839	3.38046	-0.405759	0.449603
RNH1	110.359	112.367	0.0260214	0.989514
SLC4A1AP	8.04436	8.16727	0.0218753	0.996453

FSCN1	169.755	179.465	0.0802456	0.953101
TAF5L	7.07048	9.21358	0.381953	0.283904
DHX38	13.7602	18.8704	0.455629	0.230041
SNUPN	19.486	17.733	-0.136004	0.879301
CACTIN	13.8711	21.3711	0.623578	0.0270114
MS1	18.8707	28.0411	0.571396	0.0292254
KIAA0247	1.62832	2.02347	0.313448	0.581647
FAM76A	1.35767	1.43959	0.0845281	0.970558
ACN9	12.543	15.5909	0.313822	0.442493
SUCO	3.20836	2.00093	-0.681162	0.0167292
SPRED2	9.59541	8.071	-0.249597	0.61004
DTX2	12.1205	12.1375	0.00202351	0.998764
MNS1	0.543998	0.325248	-0.742063	0.433865
TMEM11	26.5549	37.8414	0.510988	0.0885273
SLC35A5	3.459	2.06957	-0.741024	0.0222212
CXorf56	10.5794	11.9496	0.175703	0.803587
HSPA4L	3.058	4.36595	0.513709	0.115606
TTL	10.6645	11.8316	0.149822	0.8433
HIF1A-AS2	10.2152	11.529	0.174549	0.845969
SBDSP1	17.291	23.6392	0.451158	0.134248
TRAM2	2.90049	4.01449	0.468922	0.1419
IRS2	3.99488	1.34243	-1.57331	0.00134142
DDX60	0.244872	0.114625	-1.09511	1
C18orf8	10.442	13.4246	0.362484	0.684267
C5orf51	4.87975	3.58536	-0.44469	0.163218
LOC389791	0.370399	0.694915	0.907757	0.19325
DAPK2	0.927259	0.743915	-0.317835	0.759668
PELI2	0.650769	0.236327	-1.46136	0.00134142
TASP1	3.15441	3.21744	0.0285447	0.991569
KIAA0196	12.8836	9.15997	-0.492126	0.0755921
PDSS2	2.57213	1.63862	-0.650483	0.0691409
B3GALNT2	6.86398	6.68888	-0.0372807	0.986822
MBTPS1	15.6375	14.09	-0.15034	0.842317
SCYL2	5.38805	4.21892	-0.352891	0.357643
ZBTB7A	8.93212	9.71258	0.120852	0.912776
BTRC	2.97147	3.34224	0.169637	0.830384
CDK6	2.54349	2.46592	-0.0446827	0.979733
GBA	17.1126	14.9661	-0.193365	0.759573
LOXL2	0.470469	0.596777	0.343094	0.754022
IFNAR1	5.94404	4.98562	-0.253672	0.585561
CDYL	7.8263	7.05396	-0.149895	0.856449
CYB5R3	58.7801	66.2939	0.173549	0.787035
CC2D1A	20.9298	24.565	0.231048	0.641563
ZC3H14	9.24748	9.59632	0.0534209	0.976756
DYNC1LI1	18.8145	19.2687	0.0344172	0.986353
DPF1	3.01238	2.47465	-0.283679	0.746304
GCML	2.68768	5.86714	1.12629	0.00134142
TOR1AIP2	17.3066	14.8393	-0.221898	0.658266
POLR2B	24.4119	30.6535	0.328465	0.348909
SETD3	11.0802	14.7388	0.411636	0.225675
DDX31	15.9311	20.154	0.339217	0.510094
AP3D1	15.3336	15.6115	0.0259154	0.989748
MTX1	50.6005	50.6575	0.00162388	0.998764
DNAJB14	1.40016	0.939515	-0.575606	0.21876
PLEKHB2	37.0282	36.9039	-0.0048501	0.99714
POLR2D	12.6371	15.2956	0.275453	0.529644
MAPKAPK3	69.2944	63.43	-0.127573	0.888528
LOC100505549	1.02235	0.664503	-0.621546	0.335117
DUSP12	24.7134	29.8158	0.270783	0.552585
POLR1E	37.1025	37.6079	0.0195199	0.992797
SRPK1	26.0534	28.0034	0.104131	0.924371
TAF2	5.59176	6.04258	0.111863	0.917687
PRDX6	296.756	299.681	0.0141483	0.994615
SLC25A20	3.7159	8.71253	1.22938	0.00134142
MTOR	2.89496	3.11182	0.104213	0.930066
TTC7A	3.28773	3.05484	-0.105995	0.987693
KLHL31	0.031146	0.029004	-0.102794	1
SPTLC2	7.04431	6.07632	-0.213261	0.674625
DONSON	12.2913	11.7828	-0.0609528	0.970053
TRPS1	0.526852	0.389966	-0.434051	0.380929
MRPL2	46.5829	38.4853	-0.27549	0.519309
LOH12CR2	0.393304	0.179578	-1.13104	0.217535
AHSA2	4.66593	4.6395	-0.0081953	0.997736
FZD1	1.96066	1.42847	-0.456863	0.39222
CLPX	11.2183	9.29415	-0.271459	0.550625
PLCL2	1.37044	1.32533	-0.0482819	0.991767
AARS2	6.7178	6.61873	-0.021433	0.992797
SPRYD4	9.15614	13.4207	0.551649	0.240188
NME7	8.86025	6.20679	-0.5135	0.431201

MRPL24	107.549	114.294	0.0877512	0.944553
SIRT4	1.83968	2.28616	0.31347	0.773842
LOC100129961	0.235484	0.291579	0.308258	1
CDK8	3.69731	2.95663	-0.322524	0.609835
TALDO1	152.143	154.496	0.0221411	0.990994
EP300	1.43546	1.02215	-0.489907	0.170977
HNRPLL	8.12411	6.55638	-0.30931	0.457827
FBXO5	9.09196	9.12865	0.00581027	0.99714
PVRL2	51.9393	45.9273	-0.177474	0.791254
GPATCH1	2.01587	1.73243	-0.218607	0.819455
GRN	167.198	149.982	-0.15677	0.830817
TMCC2	1.73631	1.76824	0.0262937	0.993379
ATG5	8.88528	9.66404	0.12121	0.903682
KIAA1279	6.69705	6.74065	0.00936384	0.997036
ABCC1	11.285	10.6421	-0.0846226	0.948088
MRPS18B	84.4339	56.7978	-0.571986	0.0250278
NEMF	3.38039	3.4674	0.0366666	0.986822
APMAP	55.723	66.622	0.257727	0.548007
SET	316.316	388.734	0.297419	0.500412
TMEM50A	36.4008	35.359	-0.0418921	0.979875
ATP6V1D	29.3424	29.9978	0.0318712	0.986822
WWTR1	2.28347	1.77318	-0.364892	0.426146
DAK	8.66615	6.54763	-0.404417	0.931471
MAP3K13	10.7001	9.10172	-0.233407	0.707322
BAHCC1	1.19857	0.997592	-0.264795	0.729809
NARFL	14.1459	14.8454	0.0696342	0.966946
FAM98B	4.90071	7.02555	0.51962	0.158777
CEP57L1	1.73733	1.37851	-0.333767	0.602221
DHX37	13.4482	31.0533	1.20734	0.00134142
ADAT1	0.843843	0.687795	-0.294995	0.772137
EFHC1	1.18949	0.592521	-1.0054	0.00672555
MARC1	10.1603	9.12296	-0.155369	0.863051
VAMP8	1.14332	0.464808	-1.29852	0.130554
CTNBNL1	27.2444	32.7677	0.266315	0.530219
ARMC2	0.0819941	0.0635287	-0.368112	1
NR4A3	0.294827	0.301058	0.0301749	1
OSBPL11	1.50045	1.94016	0.370782	0.441752
KLHDC4	18.7483	19.8263	0.080658	0.955102
EIF4E	18.0497	24.739	0.454814	0.10531
FXYD5	488.808	494.213	0.0158625	0.99351
RBM10	37.6456	28.8264	-0.385089	0.234679
CYP51A1	32.0979	32.6793	0.0258991	0.990324
TMA7	508.767	621.185	0.288018	0.471519
ERAP2	3.84284	3.14398	-0.289582	0.530981
PAFAH2	3.15023	3.14459	-0.00258353	0.99862
HOXA6	0.255414	0.298353	0.224179	1
TMEM9	77.6091	68.8335	-0.173115	0.78475
UBE2E1	54.2301	42.3617	-0.356333	0.287459
RBM18	7.9325	8.11853	0.0334429	0.99351
RHOC	305.385	398.816	0.385092	0.240188
DCAF15	30.0102	30.6132	0.0287018	0.988657
TRAPPC10	2.90462	3.52148	0.277834	0.564234
MKI67	10.5857	13.4368	0.344077	0.318762
LRP6	1.22035	1.02452	-0.25234	0.664752
MTF1	1.20209	1.43034	0.250819	0.683888
SDAD1	10.1959	12.3892	0.281089	0.48299
LOC100129361	5.18932	5.66984	0.127764	0.900119
FAM171A2	8.46309	4.27047	-0.98679	0.00593755
ADSL	68.0419	66.8297	-0.0259343	0.989411
IPO4	34.8217	57.1235	0.7141	0.00134142
MRPS12	127.309	235.741	0.888867	0.00134142
LRP2BP	0.346207	0.361007	0.0603903	0.993379
DIS3	6.70678	6.40185	-0.0671304	0.97067
CHTF8	37.2329	31.7772	-0.228585	0.671358
DBI	207.154	302.525	0.546353	0.0398899
HCG9	0.1807	0.0559955	-1.69021	1
B3GAT3	40.5647	49.6931	0.292823	0.473708
CTXN1	30.5852	65.8673	1.10673	0.00134142
CBX3	78.2168	95.4716	0.287593	0.47186
WASF1	3.36961	3.38348	0.00592672	0.99714
ALLC	0.204767	0.370659	0.856109	0.433631
ATP6V1A	6.90142	5.68376	-0.280048	0.518295
NDUFA3	211.845	245	0.209768	0.718396
RAB18	10.6777	11.5167	0.10912	0.918335
CLU	41.6748	37.2073	-0.163587	0.809759
RBM6	14.3196	18.6715	0.38285	0.24791
TRIP12	9.6142	11.5744	0.267698	0.521183
MAPK1IP1L	11.34	10.5591	-0.102939	0.920541
TFAP4	15.1682	13.7226	-0.144496	0.87753

KDM1A	56.0495	60.5359	0.11109	0.913628
TSPAN1	0.254986	0.221883	-0.20062	1
UNC5A	1.50762	1.44201	-0.0641924	0.979875
TAF9	105.313	110.302	0.0667774	0.966946
IWS1	12.3321	14.4765	0.23129	0.64801
EIF3I	252.394	255.017	0.014919	0.994536
URB1	4.30635	6.73255	0.644687	0.009453
DAGLB	20.7187	15.2152	-0.445421	0.157978
VAV2	16.8907	21.076	0.319367	0.373156
GSK3A	48.3773	78.697	0.70198	0.00243047
FAT1	1.32268	1.4634	0.145866	0.870173
GPR137	15.3309	14.4211	-0.0882595	0.979701
SCARNA10	1.69236	1.93105	0.190347	0.993379
TMED6	0.915698	1.27411	0.476543	0.657079
C3orf38	4.40603	4.03871	-0.125584	0.974478
MRPL3	55.6978	63.8094	0.196149	0.730262
SEPHS1	22.8709	31.3979	0.457155	0.104845
DNAJA2	26.596	27.4575	0.045993	0.979484
PPIB	754.982	932.547	0.304735	0.435452
PGF	19.0623	22.7974	0.25815	0.629267
POP7	143.098	300.671	1.07118	0.00134142
PIKFYVE	1.72567	1.41584	-0.285503	0.585304
ST3GAL5	2.04531	0.828581	-1.3036	0.00134142
SPINT2	2.43314	0.825968	-1.55866	0.00243047
MRRF	45.9084	43.7309	-0.0701051	0.969963
RPS6KA3	3.6674	3.58265	-0.0337288	0.986822
DCTN6	17.9702	13.3234	-0.431637	0.844285
ITFG1	11.3505	6.46728	-0.811531	0.00243047
SMPD4	21.9612	28.5742	0.379756	0.720774
PREB	47.8608	75.2751	0.653331	0.00672555
NHP2L1	154.824	208.165	0.427103	0.151982
WRAP53	21.9379	33.7652	0.622108	0.263759
AAAS	26.531	20.512	-0.371207	0.29172
CWF19L1	12.7106	11.3456	-0.163906	0.820901
SPRED3	1.8244	2.03233	0.155709	0.894057
C6orf163	0.175285	0.0929245	-0.915572	1
PNKD	60.0658	53.6237	-0.163673	0.969776
CYB561D2	38.5886	57.5338	0.576236	0.129076
SLC35E3	6.15227	3.09393	-0.991679	0.00134142
CHCHD3	81.524	75.7432	-0.106109	0.918061
C6orf47	11.0238	12.7744	0.212631	0.716391
COPS7B	21.9657	35.0861	0.675651	0.00882987
SBDS	53.295	66.515	0.319679	0.374678
RCAN1	11.429	11.1145	-0.0402487	0.9839
FOXM1	26.8798	30.5221	0.18333	0.802544
JOSD2	54.7697	42.9466	-0.350835	0.380054
SIX5	13.6607	8.99881	-0.602223	0.0474163
PTBP1	156.033	169.547	0.119829	0.902703
LARS	29.7632	21.1881	-0.490273	0.0882057
FBXO3	7.11496	3.98183	-0.837424	0.00593755
PIP4K2C	11.3377	15.4844	0.449682	0.129875
FAM203A	2.35689	3.97862	0.755384	0.0753213
SH3GL2	0.0538992	0.00797779	-2.7562	1
SMURF1	6.93461	6.53521	-0.0855805	0.950929
P4HB	445.261	375.306	-0.246586	0.618093
TRERF1	2.87447	2.31364	-0.313129	0.477044
LRRC7	0.00776617	0.00421455	-0.881826	1
ELP5	53.3435	64.7233	0.278973	0.517897
TMEM161B	4.84127	3.11381	-0.636704	0.0455504
FAM136A	37.3656	66.6712	0.835354	0.00134142
ACAA2	38.0399	20.8159	-0.869832	0.00134142
TSSC1	15.7933	11.9528	-0.401963	0.272094
BAG6	69.745	52.3941	-0.412684	0.200886
POLR1A	5.00832	8.65106	0.78855	0.00134142
ICMT	12.2744	19.289	0.65213	0.0139368
INVS	4.86955	3.09312	-0.654724	0.030165
ARCN1	28.1343	25.1256	-0.163171	0.805942
SLC35C2	32.5498	17.1873	-0.921304	0.00134142
ZKSCAN5	4.79943	5.64303	0.233609	0.666069
TBCA	314.306	285.007	-0.141172	0.859569
RPAIN	44.3954	25.9988	-0.771965	0.705025
DCAF5	5.2251	4.61109	-0.180351	0.790283
RBBP8	5.42263	6.24263	0.203161	0.755114
RNMT	9.26606	5.61286	-0.723219	0.00337323
EFHA1	13.2559	11.8643	-0.160007	0.828589
ATP2B1	1.3864	1.99241	0.523168	0.109906
MAGT1	11.0388	9.99808	-0.142858	0.855134
MARCKS	12.6757	5.88392	-1.10722	0.00134142
PWP1	32.818	33.4536	0.027674	0.98907

CHMP4B	70.5552	74.2454	0.0735492	0.957507
UMPS	5.38802	8.57976	0.671183	0.00743393
ITGA5	26.2455	23.5902	-0.15388	0.832642
RAB7A	106.197	105.574	-0.00849506	0.997036
RAP1GAP2	6.52605	5.97149	-0.128118	0.88826
MRPS15	129.318	148.453	0.19909	0.725037
ZNF317	10.8772	9.36001	-0.216728	0.688434
ABLM1	10.1831	7.24204	-0.491703	0.0761023
PTS	15.4553	19.5835	0.341541	0.425831
TPD52L1	26.4457	16.9901	-0.638344	0.0205623
ACTR2	37.8507	32.2309	-0.231876	0.623198
ANKLE2	15.1342	16.6436	0.137156	0.865173
GOLGA2	23.8478	16.3701	-0.542794	0.0431891
NOL9	6.4786	10.4822	0.69418	0.00818401
CNKSR3	1.84379	2.50666	0.443089	0.337563
H1FX	280.908	142.943	-0.974657	0.00134142
STK4	7.00439	8.30142	0.245097	0.597632
C11orf80,RCE1	28.1203	40.9009	0.54052	0.103533
SPTSSA	12.3385	12.8795	0.061919	0.967799
MGME1	11.6933	12.9911	0.151841	0.845608
RNF187	63.7539	54.7707	-0.21911	0.680021
UBAP2L	24.0108	34.4234	0.519706	0.457516
CCAR1	6.6685	8.51717	0.35301	0.319563
NFE2L2	13.2964	11.5675	-0.200958	0.743254
TJAP1	18.2557	18.9796	0.0560991	0.974044
LYPLAL1	12.1187	5.13637	-1.23842	0.00134142
COPZ2	6.81089	5.16602	-0.398789	0.505095
NDUFS5	409.689	491.452	0.262523	0.550253
MORN2	8.80797	8.4496	-0.0599269	0.979701
MVB12B	7.0173	7.87191	0.165797	0.82369
DBF4B	6.89112	10.9126	0.66318	0.0132924
C10orf76	4.42244	3.68118	-0.264674	0.619929
SRSF4	46.9226	66.9318	0.512407	0.064193
TARDBP	17.2138	37.2292	1.11287	0.00134142
NFKBIZ,NXPE3	16.1427	12.1354	-0.41166	0.267105
CEP85	5.90579	6.75125	0.193025	0.767826
CBY1	31.2477	28.9964	-0.107873	0.922881
TXNL1	82.0572	76.5261	-0.100677	0.926225
DDX10	9.52808	16.7454	0.81351	0.00134142
PTGES3	188.974	275.873	0.545816	0.0501327
GNA15	8.58259	9.43822	0.137101	0.90608
IGFBP2	44.5701	53.539	0.264514	0.568527
C9orf40	12.7046	13.0264	0.0360874	0.986353
SLC39A8	13.219	10.2166	-0.371698	0.273055
ATF6B	45.677	29.1598	-0.647487	0.00672555
RNF219	3.66454	3.76238	0.0380146	0.985626
HMGN3	28.4981	33.5686	0.236244	0.669697
WDR83OS	211.189	244.164	0.209314	0.781066
MBD2	12.1306	12.8334	0.0812581	0.950929
CLINT1	8.61773	11.8482	0.459283	0.129076
MFSD5	25.8023	42.1879	0.709333	0.00743393
ATF4	516.638	238.147	-1.1173	0.00134142
ASNA1	95.7699	124.458	0.378015	0.24551
FBXO46	14.8659	12.9822	-0.195473	0.771183
CLTCL1	1.4984	0.989742	-0.5983	0.125756
MORC4	7.96494	7.6108	-0.0656151	0.966946
ERI1	6.68862	6.68594	-0.000578355	0.999427
PDCD2	38.9688	42.4716	0.124178	0.920028
PCGF5	12.8274	14.606	0.187337	0.908471
SDHA	61.2861	52.1644	-0.232495	0.627198
UBE2A	30.1315	36.6765	0.283584	0.478792
STMN1	206.554	172.568	-0.259351	0.549958
OPA3	3.48458	5.09258	0.54741	0.357175
PRDX2	614.004	734.103	0.257734	0.563967
TSPAN9	2.72499	4.24996	0.641199	0.0477866
JPX	3.82642	3.2979	-0.214448	0.844001
SNRNP27	21.3648	21.5793	0.0144131	0.994615
TIMM17B	122.921	107.474	-0.193746	0.882546
CAAP1	4.34632	3.30243	-0.396268	0.330501
NUP50	11.4382	15.7507	0.461559	0.10104
OPA1	9.02835	8.91446	-0.0183151	0.993379
CSNK2B	258.821	268.622	0.0536203	0.978446
CCDC124	249.926	276.027	0.143305	0.849027
PITHD1	34.9376	45.9544	0.395423	0.201085
RINT1	9.86555	10.5547	0.0974162	0.935917
H3F3A	436.183	490.601	0.169619	0.799156
RSU1	11.1454	17.4506	0.646821	0.00593755
ARL6IP5	16.3566	13.2067	-0.30861	0.430215
TMEM66	58.3977	40.7579	-0.518831	0.173795

NLRP4	0.0439046	0	#NAME?	1
GTPBP4	47.5652	67.7645	0.510623	0.0611798
IPO8	8.07966	8.12074	0.00731667	0.997036
COA4	110.394	154.632	0.486175	0.121756
ZBTB21	2.53178	2.3001	-0.138455	0.889643
SPECC1L	7.03149	9.34599	0.410518	0.20932
ZSCAN5A	0.640196	0.956144	0.578714	0.41836
EID2	28.522	34.4516	0.272495	0.556835
STIM1	10.3947	7.85001	-0.405076	0.223398
METTL5	68.0608	43.3026	-0.652369	0.362537
RPS6KL1	1.36346	1.95202	0.517701	0.194686
NDE1	5.93589	6.13489	0.0475742	0.982256
POLR2K	61.1459	78.7074	0.364242	0.267975
SLC36A1	1.22779	1.9593	0.674268	0.0470437
ZCCHC9	20.7329	15.0859	-0.45872	0.259411
TMEM5	10.813	15.1505	0.4866	0.134015
EIF4H	201.982	189.274	-0.0937467	0.939261
CANT1	25.0951	29.6357	0.239932	0.614731
RAB27A	2.27818	3.01787	0.405649	0.331712
SOX7	0.102255	0.241432	1.23945	1
MLYCD	8.09342	7.59983	-0.0907824	0.956033
SF3A2	115.353	77.7654	-0.568861	0.0266793
TNPO3	17.7275	19.2743	0.120689	0.895948
BIN3	17.5503	19.5509	0.155737	0.966946
MRPL14	132.201	215.925	0.707804	0.00337323
ZNF207	52.092	84.0409	0.690031	0.00337323
TDP2	15.5759	14.0457	-0.149184	0.852163
CCDC42B	0.199654	0.266435	0.416282	1
GTPBP8	8.99327	9.10501	0.0178144	0.99351
IL23A	0.881376	0.392898	-1.1656	0.157978
MKS1	10.399	4.58928	-1.18011	0.00134142
LY6E	486.022	483.398	-0.0078112	0.997036
SERHL2	0.0780001	0.0620586	-0.329844	1
HSP90AB1	841.205	988.207	0.232357	0.703942
REEP1	0.878701	0.780298	-0.171346	0.910195
NCAPG	5.82971	3.66362	-0.670153	0.0566185
FES	0.44308	0.568093	0.35856	0.790844
WDR46	40.6889	74.5657	0.873878	0.00134142
NOM1	7.55952	11.1296	0.558039	0.0357572
PREP	15.4283	15.3456	-0.00775393	0.997036
UAP1	211.406	223.135	0.0778986	0.955758
STK3	6.09253	4.93337	-0.304467	0.520122
C4orf46	5.00643	6.74705	0.430474	0.200886
PDXDC1	11.4968	14.7227	0.3568	0.284553
PARL	52.4343	52.355	-0.00218401	0.998564
AP1G1	6.09963	6.05905	-0.00962898	0.996453
LRP11	6.07045	3.8368	-0.6619	0.0235476
RNF139	19.1064	13.104	-0.544051	0.19325
BATF3	27.4025	68.4831	1.32144	0.00134142
TMEM160	69.9293	79.4082	0.183391	0.819681
TTYH3	23.0463	20.6571	-0.157896	0.826656
CD151	393.875	435.544	0.145082	0.856449
DCK	5.82904	4.58395	-0.346667	0.435326
NPC1	11.5144	4.56955	-1.33331	0.00134142
ANKS6	9.78958	10.9743	0.164813	0.812384
TIMM17A	40.1399	69.7946	0.79808	0.00134142
NAA20	90.7963	113.976	0.328022	0.35617
PRDM6	0.076292	0.0700586	-0.122968	1
PMP22	31.2322	44.6204	0.514669	0.0573356
UFM1	15.7675	14.2197	-0.149069	0.846243
EAPP	24.9978	16.331	-0.614192	0.0266793
CDK5RAP2	4.9721	3.3621	-0.564495	0.0477866
RMDN3	16.4462	19.5405	0.248713	0.608559
PRIM2	9.54789	5.8535	-0.705882	0.0150729
KIAA1024	0.192967	0.301335	0.64301	1
ATP5D	399.613	454.107	0.184431	0.762867
KIAA1549	1.38598	1.70319	0.297329	0.520342
ZC3H3	19.3412	22.8444	0.240165	0.622505
RABGGTB	59.2946	64.4947	0.121281	0.898291
PTPN3	6.32748	5.49918	-0.202414	0.716973
MBOAT7	103.811	97.7428	-0.0869016	0.945946
SLC25A32	18.2294	29.2785	0.683574	0.284036
LIMS1	3.20678	2.59682	-0.304378	0.530257
SIL1	42.9673	29.386	-0.548109	0.0436049
TRAPPC1	157.784	171.964	0.124161	0.890511
POLR2I	96.5631	101.806	0.0762743	0.979701
ATP5J2,ATP5J2-PTCD1,PTI	789.519	977.827	0.308605	0.68633
AP1M2	3.65168	3.28654	-0.15199	0.919186
HNRNPF	116.412	145.021	0.317022	0.385863

IL16	0.0295203	0.0299328	0.0200184	1
WAPAL	5.68564	6.87944	0.274969	0.505355
LMBRD1	9.68673	3.89127	-1.31577	0.00134142
C6orf132	4.02939	4.48695	0.155174	0.851514
C16orf88	6.44748	7.65894	0.248409	0.746773
MAN1A1	1.21586	0.952742	-0.351814	0.54069
TET2	0.638484	0.423074	-0.593738	0.128584
WRNIP1	37.1571	49.0009	0.399171	0.200886
MDK	672.793	636.174	-0.0807406	0.952905
TRIM9	0.00384287	0	#NAME?	1
PYGB	21.1003	27.3885	0.376306	0.504136
MXD3	35.1409	54.9433	0.644792	0.296942
TRNT1	7.68032	14.3492	0.901732	0.00134142
MBTPS2	2.53007	1.51393	-0.740884	0.0326415
CNIH	67.7595	59.9331	-0.177069	0.775379
NXPH4	34.2872	39.3762	0.199652	0.750701
MAPKAP1	72.1376	50.811	-0.505609	0.0857334
USP5	32.7503	38.5932	0.236838	0.605597
ADCY6	7.02628	8.44927	0.266065	0.559828
FMR1	5.67214	4.98401	-0.186586	0.787261
MRPS10	20.1931	19.0204	-0.0863156	0.947247
ORMDL1	23.8474	25.9781	0.123465	0.913984
CERS6	3.44652	3.4722	0.0107068	0.997036
RPF2	55.1675	55.5601	0.0102285	0.996079
N4BP1	3.23397	2.69552	-0.262746	0.61004
SEC13	79.863	99.6407	0.319208	0.365268
ZDHHHC21	0.932472	0.86287	-0.111916	0.932468
MRPL55	70.447	103.512	0.555181	0.0531423
NAT14	2.16301	2.18394	0.0138904	0.997036
RARS2	17.2703	14.7106	-0.231439	0.652159
PDCD2L	28.2932	30.7744	0.121278	0.906895
PPP2CB	43.0585	51.5282	0.259065	0.550662
BFAR	21.8396	17.4103	-0.32701	0.360906
DCTN5	6.81618	9.08972	0.415272	0.167979
TAOK3	1.3163	1.2705	-0.0510927	0.983483
SH3GL1	74.3947	86.8861	0.223925	0.651698
GF2M	11.9221	9.87071	-0.272412	0.950929
LRIG1	2.87597	3.44401	0.260038	0.87867
KLHL18	4.81105	10.03	1.05989	0.00134142
KCTD13	10.5366	7.29449	-0.530533	0.169417
FUT10	3.12493	2.63972	-0.24344	0.716391
SEMA6A	0.0545735	0.0376952	-0.533818	1
EIF2B5	23.3348	25.294	0.116311	0.905597
PCDHB8	1.54641	0.806038	-0.940003	0.0398899
NPM1	1508.23	1474.85	-0.0322926	0.987693
UBE2K	15.2353	17.8929	0.231965	0.632842
ADIPOR2	11.7024	17.4338	0.575078	0.0292254
IFT46	7.90752	4.40724	-0.84335	0.0101293
ZNHIT1	168.692	179.591	0.0903269	0.965515
IFNGR1	8.23188	5.50452	-0.580607	0.049309
SLC39A13	34.9052	48.7006	0.480497	0.0904428
CD2BP2	36.2743	44.6287	0.299023	0.424407
JAGN1	30.8632	31.3656	0.0232948	0.991459
CDKAL1	3.01139	2.39088	-0.33289	0.52114
SEP15	58.4809	47.9706	-0.285814	0.462958
ZNF382	0.0776437	0.0458254	-0.760722	1
TGFA	2.42922	1.89969	-0.354728	0.466097
EPC2	2.80207	1.84133	-0.605745	0.0739785
M6PR	77.7105	67.0694	-0.212455	0.724424
CRHR1-IT1	4.3075	3.39526	-0.343329	0.874904
TAP1	26.9184	32.5845	0.275591	0.797015
TBRG4	79.5884	105.109	0.401262	0.184331
UBE2L3	48.2789	71.7713	0.572013	0.0306129
SAP30BP	26.9537	34.5399	0.357783	0.274547
HIRA	7.26121	11.7225	0.690994	0.00882987
EDC3	10.7357	12.9683	0.272576	0.52724
MTHFD1L	34.2751	32.6609	-0.0695982	0.97314
GRB10	8.49271	5.41007	-0.650578	0.0167292
ASPH	50.6367	37.6148	-0.428882	0.161633
TRAF3IP1	1.91864	2.80183	0.546289	0.127726
TFEB	2.18543	2.82701	0.371357	0.619587
GTPBP5	6.2837	7.56688	0.268085	0.636003
PRRC2C	4.88439	6.0596	0.311046	0.395326
MAEA	24.9271	31.2987	0.32839	0.371147
UTP23	8.17756	9.50132	0.216458	0.692443
PRKAR1B	20.5643	34.409	0.742643	0.0569429
ICAM1	32.819	35.338	0.106691	0.920082
ATG4A	2.34348	3.5992	0.619021	0.0820682
SCRN1	0.0360682	0.0589733	0.709337	1

FAM35A	4.72965	5.71937	0.274124	0.575816
CHORDC1	10.0289	32.2285	1.68418	0.00134142
GSG2	3.8041	3.35559	-0.180988	0.942857
MAD2L1	53.8751	57.9423	0.104998	0.921236
CWC27	9.87079	7.45682	-0.404606	0.244643
HSPA14	17.5951	25.2239	0.519617	0.0601893
E2F3	4.36288	5.59304	0.35835	0.333252
KCTD20	6.0398	5.21439	-0.212001	0.700253
COPS8	33.2238	35.6031	0.0997857	0.926225
NRM	29.8568	20.9339	-0.512215	0.098844
TIAL1	18.0306	20.7585	0.203258	0.706945
WDR70	9.41151	5.82698	-0.691676	0.0139368
RPH3AL	3.13694	1.93904	-0.694017	0.0891066
NAPA	49.929	66.1795	0.406507	0.193192
HAUS2	10.3594	11.222	0.115391	0.909435
RAD1	5.22812	5.59793	0.0986026	0.935939
ATG10	1.64265	0.954944	-0.78254	0.0704662
EAF2	2.56076	1.24713	-1.03796	0.0261279
PANX1	3.31503	3.58968	0.114834	0.937399
EIF1	848.061	418.529	-1.01884	0.00134142
FKBP15	27.2012	14.8677	-0.871492	0.00134142
SUB1	29.4331	39.1067	0.409977	0.170566
ANP32E	17.2319	20.1804	0.227878	0.642142
SYT11	0.0133079	0.0223439	0.747599	1
RNF168	5.80459	4.85708	-0.257104	0.594881
SEPT2	46.3048	45.2005	-0.0348222	0.990324
TOMM6	147.356	204.416	0.4722	0.0991734
ZBTB8OS	16.5201	17.6076	0.0919713	0.954455
BAG2	22.6666	40.215	0.827165	0.00134142
SYNCRIP	14.4276	24.9822	0.792074	0.00425224
PRPF38A	14.9829	15.5025	0.0491895	0.978703
ABHD5	2.84042	2.7998	-0.0207844	0.992939
LMAN2	126.802	122.995	-0.0439732	0.979701
LMAN2L	7.64747	10.7181	0.486988	0.131622
PLTP	9.91162	9.14272	-0.116497	0.984479
C1orf174	16.0986	20.9989	0.383375	0.278399
SUPV3L1	21.8171	21.1024	-0.0480535	0.978196
ATP6AP2	36.6223	29.3609	-0.318828	0.369215
PLK4	5.17671	4.25085	-0.284286	0.531344
EMC3	32.7366	32.0959	-0.0285134	0.989486
DNAJC12	33.1541	19.3431	-0.777367	0.00337323
PMCH	1.19719	1.24688	0.0586624	0.994571
MRFAP1L1	37.8658	47.8365	0.337218	0.334518
NEK4	3.41595	3.25321	-0.0704203	0.96926
NOL6	10.003	33.625	1.7491	0.00134142
NDUFB10	126.307	154.397	0.289716	0.456061
CBWD6	3.63724	4.03773	0.1507	0.901496
EFTUD1	16.0758	8.84233	-0.862393	0.00134142
PDIA3	126.831	141.249	0.155329	0.924865
LRPPRC	30.4916	23.4363	-0.379669	0.243457
COPA	21.9153	10.7796	-1.02364	0.00134142
XBP1	76.2889	34.5102	-1.14445	0.00134142
ZAK	5.84786	5.0287	-0.217722	0.720295
ENY2	40.2919	52.1943	0.373403	0.238477
RHOF	116.564	79.8188	-0.546324	0.104845
RSG1	1.72481	1.40664	-0.294186	0.826204
FAM105A	0.905413	0.867488	-0.0617326	0.978188
PHF16	2.54832	2.56378	0.00873114	0.997036
C17orf75	2.27767	1.32603	-0.780446	0.0205623
VPS26A	24.4915	19.9147	-0.298454	0.44532
SLU7	9.86621	7.05139	-0.484588	0.0920155
TTYH2	9.55417	14.0528	0.55665	0.0497748
RBM42	70.7789	83.1242	0.231949	0.638
PPT1	49.3397	54.363	0.139876	0.859569
GNPTAB	2.74626	2.85462	0.0558261	0.977103
DVL2	34.2766	23.7212	-0.531047	0.0523239
URI1	12.8797	14.5847	0.179355	0.777061
ACP1	64.3313	63.012	-0.0298934	0.987693
TXLNA	23.57	28.1389	0.255618	0.568356
DNMT3A	1.48346	1.46247	-0.0205578	0.995302
HIST1H4E	5.67664	3.34938	-0.761141	0.357264
HSP90AA1	320.383	629.389	0.974158	0.00134142
KLHL8	1.41328	1.28672	-0.135355	0.919029
BSG	700.44	758.474	0.114839	0.913628
ZNF674-AS1	2.1219	2.7972	0.398627	0.474273
AMBRA1	5.8738	5.66378	-0.052529	0.978196
ANXA7	28.2419	23.1295	-0.288106	0.479015
TACO1	18.6099	19.5986	0.0746795	0.96103
CHTF18	16.4013	18.6016	0.181615	0.789942

BICD1	0.365805	0.233302	-0.648875	0.342414
CTSL2	2.62212	1.70123	-0.624159	0.0551188
FGFR10P	7.27068	5.83677	-0.31692	0.520144
ATP13A1	23.7467	27.9411	0.23466	0.626609
FAM111B	1.48299	2.8705	0.952795	0.00134142
IPO13	6.32084	8.63903	0.450752	0.170566
COQ5	16.9908	8.22697	-1.04632	0.00134142
WDR5	45.4493	63.647	0.485834	0.0768595
TNRC18	7.57535	6.72288	-0.172234	0.805942
TMEM245	6.51676	4.45024	-0.550272	0.0403066
CASK	1.59999	1.21105	-0.401802	0.30972
GNG5	314.068	343.305	0.128411	0.917325
PPIA	683.67	771.559	0.174476	0.826927
MAP3K10	10.557	6.66485	-0.663552	0.030994
ABLIM2	0.455633	0.172627	-1.40021	0.036526
RPP30	7.24393	6.97048	-0.0555146	0.979215
ELL3	1.72557	1.99194	0.207105	0.991767
KPNA4	9.15677	11.4478	0.322155	0.374085
PHF5A	71.7152	103.182	0.524846	0.0536165
PGRMC2	20.0418	19.8738	-0.0121481	0.995464
SMPD2	10.6531	16.0552	0.591773	0.0584113
ERCC6L	1.95446	2.74664	0.490899	0.530201
ZNF346	3.46218	4.1035	0.245173	0.710179
NUP37	34.6244	24.3899	-0.505505	0.0780546
LONRF1	3.93865	3.83945	-0.0368011	0.987334
FDPS	73.9577	88.258	0.255027	0.737796
SPTY2D1	3.17192	3.66948	0.210221	0.72467
FIBP	106.239	103.269	-0.0409142	0.981616
HSPB1	950.727	1726.73	0.860938	0.00134142
FXR2	45.261	49.2446	0.121699	0.935939
TXNDC15	8.55513	8.33178	-0.0381658	0.983594
FAM96B	188.346	203.435	0.111187	0.911676
SLC25A5	528.722	474.558	-0.155923	0.836851
CSK	75.5009	102.503	0.441093	0.128787
STRIP1	7.59522	8.43199	0.150781	0.863873
DSE	3.20543	2.75245	-0.219804	0.742233
NPM3	178.502	220.947	0.307762	0.402127
USP28	5.31289	3.72045	-0.51402	0.0914856
TEX261	30.9446	32.7266	0.080776	0.950929
PSMD13	125.754	134.587	0.0979381	0.9316
OCLN	5.6806	4.97628	-0.190975	0.757054
TELO2	29.5373	53.699	0.862358	0.00243047
SENP8	1.23162	0.489101	-1.33236	0.241608
SLC39A11	5.39001	4.37257	-0.301807	0.571203
CD164	44.9258	45.7015	0.0246973	0.990857
CD320	298.819	383.265	0.359071	0.291851
NCOA2	0.315005	0.239168	-0.397347	1
CERS6-AS1	6.54841	6.18382	-0.0826453	0.976225
C2orf76	1.42188	1.96	0.463048	0.564226
SLC9A2	0.167977	0.29891	0.831445	1
EPB41L2	15.4122	13.1444	-0.229617	0.651388
THRA	10.0068	7.30064	-0.454889	0.516824
C9orf91	9.70971	6.73901	-0.526892	0.0675751
METAP2	27.8707	29.19	0.0667223	0.963457
PRAF2	2.89229	1.56161	-0.889172	0.0868006
CUL1	23.3869	34.8236	0.574362	0.0270114
PDGFRB	0.0185557	0	#NAME?	1
TMPO	28.7577	34.0996	0.245806	0.600596
SDHAF2	35.1615	40.2933	0.196544	0.739331
COMMD9	6.90403	9.42501	0.449056	0.15219
TBC1D24	3.36016	4.86449	0.533758	0.0838642
MKNK1	8.90315	6.96036	-0.355153	0.374085
APBB2	1.0897	0.866261	-0.331053	0.561776
MPHOSPH8	10.1441	9.46267	-0.100323	0.92856
PPME1	45.5729	42.7438	-0.0924606	0.935939
PHF10	21.9553	16.9167	-0.376119	0.52114
CCT7	348.967	411.713	0.238551	0.648246
LOC100216545	2.08415	2.43887	0.226754	0.797015
LBR	11.8498	17.4456	0.558009	0.0288382
HOXD9	10.7875	8.67103	-0.31509	0.573322
ADCK2	48.9742	36.2738	-0.433094	0.151982
IRF3	67.8634	70.5949	0.0569303	0.979701
NACK	14.9398	18.1346	0.279587	0.559109
SLC35B3	7.85933	6.87885	-0.192239	0.799188
PEPD	43.657	51.4351	0.236538	0.618093
KRTAP4-9	0.893052	0.339682	-1.39456	0.138798
HIST2H2AC	4.9286	5.99305	0.282111	0.895818
PLBD1	17.6894	13.1702	-0.425605	0.179301
C14orf1	37.0857	33.7934	-0.134123	0.876899

SMG5	19.3746	34.7129	0.841304	0.00134142
MEIS2	2.71092	2.32362	-0.222412	0.79485
CRCP	12.6673	10.4164	-0.282259	0.528722
S100A16	875.704	1127.04	0.364021	0.293861
MRPS9	34.706	28.7226	-0.273	0.514922
SNORA74A	1.06359	1.40681	0.40349	0.989411
NUBP1	17.5408	27.174	0.631515	0.0178668
ABCD3	10.2347	16.1937	0.661964	0.030994
RRP1B	15.6768	30.4204	0.956409	0.00134142
RUVBL2	237.956	262.216	0.140064	0.863571
CCNE1	14.4206	31.6001	1.1318	0.00134142
EFHD2	54.9838	93.6388	0.7681	0.00134142
NCOA3	1.26033	1.34239	0.0909933	0.952371
ADI1	23.9093	38.5006	0.687309	0.00593755
KREMEN1	2.90573	1.8697	-0.636096	0.0451064
CHMP4A	38.2084	27.3547	-0.482104	0.0986455
BCAN	3.42239	3.01142	-0.184564	0.858563
AKAP1	13.4544	21.8693	0.700823	0.00243047
RIOK1	13.4758	22.2071	0.720648	0.00672555
SNAPIN	40.6201	30.7153	-0.403235	0.913628
EFTUD2	37.9428	44.3743	0.225899	0.654699
ATP1A1	85.8151	91.8043	0.0973305	0.931473
FHOD1	9.9136	17.1455	0.790347	0.00134142
FAXC	0.551636	0.753733	0.450337	0.300705
PRIM1	14.5289	6.7199	-1.11241	0.00134142
TMEM64	6.94293	8.89333	0.357178	0.295961
C10orf82	0.107858	0.105532	-0.0314624	1
AK2	77.1654	79.9146	0.0505057	0.977332
SGTB	2.62839	2.14158	-0.295507	0.736532
MSTO1	8.63375	15.0297	0.799759	0.00134142
MRFAP1	151.143	243.372	0.687253	0.00243047
TMEM41B	27.345	24.6526	-0.149537	0.874758
ANGPTL4	104.486	93.759	-0.156284	0.845125
GLT25D2	0.571804	0.179393	-1.67239	0.00134142
KLF4	6.45231	2.22827	-1.53389	0.00134142
CAP1	82.8888	91.2646	0.138878	0.86414
RBBP5	3.45809	3.75774	0.11989	0.917453
ALDH18A1	45.5104	46.5067	0.0312417	0.987693
MAD2L2	142.275	134.401	-0.0821431	0.946765
ZNF410	19.1112	17.5695	-0.12134	0.902703
CTSZ	92.7826	93.9359	0.0178227	0.993379
SFMBT1	2.72242	3.57328	0.392358	0.3074
SART1	27.6735	30.5131	0.140927	0.857478
DNAJC21	3.52302	3.1622	-0.155886	0.845125
ARHGEF10L	5.74807	4.38916	-0.389135	0.334316
THYN1	62.6352	41.1931	-0.604571	0.0227017
SNHG10	6.04891	10.5467	0.802044	0.0189207
HMOX2	36.7511	71.3081	0.956281	0.00425224
SLC2A3	15.427	5.24656	-1.55601	0.00134142
TACC2	8.59632	9.22307	0.101528	0.931473
PPP1R7	63.8647	57.6058	-0.148807	0.839737
PAQR3	4.97272	6.70989	0.432254	0.176673
CCDC125	1.988	0.980818	-1.01926	0.00134142
MCRS1	35.139	46.9658	0.41854	0.170841
PRCC	25.2597	38.3308	0.601671	0.0183825
PES1	86.5291	126.84	0.551754	0.0377654
AURKB	102.812	127.81	0.313989	0.393497
DRG1	62.9323	62.7906	-0.00325169	0.998526
PARK7	343.686	372.531	0.116268	0.907657
MBNL1	6.85481	6.19536	-0.14593	0.854605
MBOAT1	1.57843	1.1338	-0.477332	0.313191
TRAM1	46.6185	42.5348	-0.13226	0.874631
UGGT2	2.3713	2.25654	-0.0715646	0.967901
RNGTT	3.2037	3.60315	0.169519	0.83481
NDUFS2	59.4185	44.5338	-0.41601	0.168676
RANBP9	11.6135	8.26522	-0.490678	0.0920155
SHOC2	5.08271	3.82254	-0.411064	0.233215
ILKAP	35.2189	44.0216	0.32186	0.383463
MB21D1	4.43698	8.05685	0.860636	0.00672555
GPHN	5.95529	5.00632	-0.25042	0.635935
SIVA1	167.274	250.941	0.585134	0.0250278
SNORA12	43.3581	1.54949	-4.80644	0.872554
LYPLA1	37.5635	34.1304	-0.138277	0.86583
KCNQ4	5.77344	6.20297	0.10353	0.943036
ALAS1	31.7992	36.378	0.194074	0.736907
SFTA1P	434.114	395.907	-0.13291	0.876899
TRIP10	44.6003	47.3218	0.0854508	0.945247
LARP4	3.02726	4.96452	0.713642	0.00818401
ELP3	11.3791	7.63439	-0.575808	0.0382315

SSU72	159.245	206.552	0.375251	0.250722
ZNF598	45.0034	49.9426	0.150235	0.836762
FUCA1	8.32416	8.16205	-0.0283726	0.990315
SNRPB2	45.9576	56.2922	0.29263	0.46354
FECH	2.18271	2.50486	0.198605	0.772073
CYB5D1	5.13577	8.85888	0.786545	0.064193
PSEN1	7.2179	5.07922	-0.506971	0.0713011
CSGALNACT2	4.69056	2.8536	-0.716977	0.0132924
PPP1R15B	9.4738	7.73848	-0.291894	0.466328
LMNB2	47.1608	64.0851	0.442401	0.140336
TMEM128	14.1615	8.33899	-0.764033	0.00743393
ZNF702P	1.67311	1.68543	0.0105791	0.997036
DDX19A	12.6403	22.4045	0.825763	0.00134142
SFXN1	14.3759	14.7192	0.0340534	0.985921
BOLA3	88.4144	101.315	0.196497	0.760508
NACC1	34.6252	54.9271	0.665695	0.009453
SCARB1	62.9458	93.7411	0.574572	0.0266793
BRIP1	1.84183	0.712324	-1.37053	0.00134142
SLC25A16	2.79633	3.33114	0.252478	0.737375
ENDOV	9.68827	8.88032	-0.125627	0.967901
BUD13	14.1422	13.2318	-0.0959885	0.941513
NDUFAF5	6.13709	7.8407	0.35343	0.384848
HNRNPUL1	65.1117	51.4952	-0.33848	0.320081
DEPDC7	1.69665	2.11722	0.319486	0.678263
YWHAE	377.612	400.952	0.0865265	0.950929
CISD1	12.8278	12.8757	0.00537285	0.99714
TECPR1	5.07673	4.27428	-0.248219	0.646852
APLF	0.326464	0.190324	-0.778467	1
CIRH1A	38.2325	44.2421	0.210622	0.690092
IMMT	42.9569	32.9797	-0.38131	0.236307
TMED5	7.73302	9.93299	0.361196	0.274527
TRIM24	4.35922	3.24553	-0.425612	0.238477
ATP7B	1.22296	1.38385	0.178306	0.874709
SHPK,TRPV1	5.33953	7.86816	0.559312	0.0710419
ILF3	66.5116	81.5728	0.294481	0.483862
SLC16A11	0.279271	0.271764	-0.039311	1
AKIRIN1	20.2458	20.9645	0.0503291	0.978424
DNM1L	11.7873	12.1987	0.0494878	0.977332
CHD7	1.85544	2.39866	0.370468	0.292855
GALNT11	13.9668	13.4886	-0.0502645	0.97854
TEKT4	0.621123	0.544378	-0.190271	0.959465
FAM161A	1.10108	1.15171	0.0648538	0.979701
FANCD2	2.78183	1.74881	-0.669665	0.0274653
LGMN	32.0861	29.2586	-0.133088	0.877493
PSMD8	320.962	357.582	0.155869	0.830662
ATP5B	499.315	497.301	-0.00583119	0.99714
HOXC9	1.22607	1.75282	0.515638	0.508949
CCDC90A	5.64016	6.12274	0.118441	0.907689
MOC52	18.5755	25.1315	0.436093	0.162023
SPTBN2	13.4437	13.3248	-0.0128121	0.994615
TDRD3	4.78264	2.67362	-0.839014	0.00509212
MMEL1	3.22731	5.38729	0.739229	0.530238
RAP1A	22.025	17.4029	-0.33982	0.328112
PTCHD3P1	6.09396	8.67524	0.509523	0.119072
NUDCD1	22.2688	23.4625	0.0753381	0.956373
SELT	25.5887	35.6476	0.478295	0.0935542
MRT04	49.6922	94.7016	0.930368	0.00134142
TMEM181	4.71499	6.7158	0.510303	0.0671701
SMIM8	2.13419	2.24488	0.072948	0.974044
SLC35G1	2.3318	3.56472	0.612341	0.0953833
EMC1	5.86354	6.50255	0.149235	0.849892
MPHOSPH9	1.58581	0.830452	-0.933251	0.00509212
LOC81691	6.44809	2.30516	-1.484	0.00243047
NDUFA7	172.676	153.465	-0.170165	0.806843
TK1	132.906	116.645	-0.18828	0.750137
TMEM199	8.76346	13.928	0.66842	0.0261279
SFXN4	50.648	43.6764	-0.213652	0.676123
MALSU1	66.444	80.868	0.28343	0.509535
CCDC12	41.2835	58.6674	0.506996	0.243408
DNAJA4	6.25693	16.9033	1.43378	0.00134142
RBM3	71.4255	64.6346	-0.144132	0.856449
MAK16	8.92684	12.0764	0.435963	0.240188
SLC7A5P1	0.583611	0.55966	-0.0604563	0.996079
DNAJB2	39.0768	27.2138	-0.521974	0.0678232
TPRKB	52.6556	48.2901	-0.124861	0.893557
ATPIF1	298.629	321.885	0.108191	0.919413
C14orf2	395.483	438.803	0.149958	0.845974
MYO19	14.7829	17.8936	0.275515	0.797015
HSD17B7	8.36497	6.63892	-0.333413	0.495756

CHMP4C	53.4455	26.0158	-1.03868	0.00134142
EHBP1L1	10.0541	10.8269	0.10684	0.924301
BCAT2	98.7872	90.1765	-0.131573	0.881073
PGRMC1	103.46	93.9057	-0.139792	0.86642
RELT	12.5661	14.7368	0.229888	0.654231
PAQR7	19.3637	15.5545	-0.31602	0.393212
AQP7P1	0.0222624	0.0318128	0.514995	1
ACER3	1.31282	1.7668	0.428473	0.335614
CCDC86	46.8282	138.567	1.56513	0.00134142
FYN	7.78737	4.49341	-0.793327	0.00425224
MVK	15.4681	18.1647	0.231842	0.693403
TTC17	9.06567	5.43767	-0.737424	0.00337323
XPR1	2.15146	2.18491	0.0222567	0.991767
TYMS	23.697	26.77	0.175914	0.950929
KIAA0355	1.30384	0.722188	-0.852315	0.0156972
SRPR	22.0685	26.7403	0.277031	0.607259
PTER	5.52468	2.47929	-1.15596	0.00134142
AAMP	139.178	177.215	0.348561	0.302329
PARN	10.851	8.10272	-0.421351	0.200394
AURKAIP1	258.178	367.172	0.508093	0.066512
RNF14	5.30484	4.55212	-0.22077	0.716439
TNFRSF10A	6.40037	8.7241	0.446851	0.249298
CSTF3	17.6952	20.3024	0.198287	0.917379
PIP5K1C	8.96582	14.6198	0.705414	0.00672555
MGAT5	4.20555	5.32495	0.340473	0.342123
RBBP7	47.6002	48.5312	0.0279426	0.988165
DUSP5	112.289	78.7666	-0.511562	0.0637115
MOB2	28.0579	28.877	0.0415133	0.994978
NARS2	7.33388	7.43494	0.0197434	0.993379
ANKRD54	14.9747	24.039	0.682847	0.009453
PTH1R	6.69897	1.48708	-2.17146	0.00134142
SLC1A1	2.09104	1.03409	-1.01587	0.00134142
AIDA	23.8491	20.7557	-0.200423	0.717812
SF1	86.7655	97.4336	0.167299	0.813924
UBE3C	19.2344	24.5578	0.352494	0.291851
PIK3R4	2.80742	4.31527	0.620204	0.0373672
MIPEPP3	0.57104	0.457924	-0.318482	0.987693
SCAMP3	56.7765	77.1789	0.442911	0.128873
C2orf47	19.1777	24.2773	0.340174	0.516701
TAF11	17.8443	20.6094	0.207846	0.726892
CLTC	24.7972	23.1624	-0.0983906	0.931471
TCF7L2	4.17198	3.47461	-0.263883	0.641082
UBE2M	145.296	188.45	0.375185	0.240028
CLPP	209.368	223.302	0.0929547	0.935062
FAM72D	1.40865	0.828625	-0.76552	0.0972878
FAM47E,FAM47E-STBD1,S'	10.2628	7.72344	-0.410109	0.229068
SNX19	2.16057	2.46233	0.188612	0.819258
ABHD16A	29.0959	22.6165	-0.363439	0.311781
SGK223	2.62922	3.64693	0.472047	0.249612
LARGE	4.10869	4.46264	0.119218	0.921047
TM9SF3	26.8451	22.9538	-0.225929	0.656683
TCEB2	538.857	655.117	0.281849	0.534473
SRP14	239.064	253.777	0.0861642	0.945946
COBL	3.82787	3.38242	-0.178486	0.820463
ELMOD2	3.1027	1.88737	-0.717151	0.0167292
ABCC4	3.79163	3.89369	0.0383173	0.984692
RDH11	21.0368	17.2325	-0.287783	0.485249
FGD4	0.0937605	0.0317367	-1.56283	1
RNF121	10.7716	13.0926	0.281513	0.529932
ZNF384	17.0248	15.7088	-0.116061	0.911367
ABCF2	50.4403	95.7727	0.925037	0.00134142
PHAX	6.60345	8.05231	0.286184	0.501458
GIPC1	146.812	173.968	0.244852	0.61004
PLOD3	51.4751	66.615	0.371973	0.614283
OTUD6B	4.32451	7.58661	0.810917	0.00243047
GMEB2	7.26393	6.19189	-0.23037	0.701805
ARSJ	2.2574	2.24739	-0.00641271	0.997082
NDUFS7	176.907	168.68	-0.0687026	0.962032
PRODH	1.17764	0.549263	-1.10033	0.0605453
TMT4	4.27649	2.22036	-0.945638	0.00134142
EIF4G1	40.699	66.9935	0.719028	0.00337323
RNMTL1	29.0977	40.1812	0.465616	0.396027
ALDH9A1	36.2551	28.0183	-0.371814	0.240188
LOC202181	0.683818	0.684578	0.00160277	0.99926
MYO9A	0.233066	0.153549	-0.602037	1
PPIL3	15.3	8.8155	-0.795422	0.00593755
PKP2	3.5478	2.64614	-0.423036	0.260275
TOR2A	47.6829	50.4766	0.0821436	0.95467
NDUFA8	162.445	158.443	-0.0359907	0.984917

EIF3B	80.8129	119.291	0.561828	0.0306129
MEN1	36.3545	53.7929	0.565283	0.0322484
ICA1	3.52759	1.34807	-1.38779	0.00134142
MRPS30	43.7549	31.2144	-0.487234	0.0888791
HAUS5	6.66592	5.14888	-0.372543	0.33045
DKC1	43.333	71.3469	0.719386	0.00134142
POLR3A	5.35775	6.11675	0.191139	0.754842
LACTB2	17.893	10.0823	-0.827567	0.00134142
MTA2	40.1982	64.6106	0.684642	0.00672555
DYNC11	0.147161	0.101045	-0.542397	1
DNAJC19	14.4937	11.0611	-0.389931	0.285008
ADORA2A-AS1	0.0699885	0.0793305	0.180758	1
C19orf25	37.5834	38.6401	0.0400061	0.983594
ADCK4	22.2584	10.4944	-1.08473	0.00134142
COX7B	356.383	387.56	0.12099	0.895818
C5orf28	3.24097	2.22478	-0.542762	0.144914
CAPN5	6.2777	4.47341	-0.488861	0.135879
MAP7D3	5.29147	3.47001	-0.608728	0.0314167
MRPL21	109.953	110.539	0.00765994	0.997036
TPK1	0.635377	0.806402	0.343886	0.729897
SYT13	0.0109622	0.00188882	-2.53697	1
CCNO	18.8061	31.9609	0.765106	0.009453
THOP1	72.135	82.5249	0.194129	0.736907
PPWD1	9.79252	9.49575	-0.044399	0.979944
KIAA1804	2.91389	3.63645	0.319586	0.47416
ICA1L	0.454139	0.370285	-0.294499	0.750866
HMGXB3	16.9674	16.7716	-0.0167469	0.99351
CLEC18B	0.15213	0.0795167	-0.93597	1
IL4R	7.83536	9.44512	0.269569	0.559547
HAUS6	5.19305	4.86885	-0.0930007	0.937765
BLMH	16.435	24.3949	0.569812	0.0318033
SLTM	7.89752	10.197	0.368668	0.27191
TTC32	3.32546	2.60328	-0.353222	0.703835
EIF2AK3	2.14241	1.55811	-0.459441	0.255519
GRWD1	36.3495	73.7888	1.02147	0.00134142
KIF21B	0.102398	0.0815592	-0.328269	1
SLC35A4	28.8113	45.6267	0.663246	0.010797
TGS1	8.44277	8.20428	-0.0413409	0.987858
TSTD1	101.595	98.7659	-0.0407458	0.983604
PSENIEN	92.0341	85.1766	-0.111711	0.917325
NPFF	1.8702	2.40616	0.363535	0.806888
KCND1	0.423628	0.211136	-1.00463	0.0925999
FA2H	2.99579	1.1044	-1.43967	0.00134142
SERPINA1	0.0945485	0.805197	3.09022	0.00134142
LSM4	163.868	162.386	-0.0131063	0.994615
FBXO36	0.633838	0.216044	-1.55279	0.009453
WHAMM	5.56714	4.13873	-0.427749	0.24199
SETD8	20.8597	23.4056	0.166137	0.806888
SHMT2	292.013	214.553	-0.4447	0.164652
RCC2	25.6668	41.537	0.694491	0.00882987
FABP3	0.0678758	0.141328	1.05808	1
POLG2	5.64311	7.62581	0.434399	0.289311
PLA2G15	12.4191	13.0914	0.0760582	0.958814
ATOX1	123.447	161.506	0.387691	0.216539
RNF183	0.0675335	0.0377068	-0.840778	1
ACRC	0.223329	0.197589	-0.176669	1
SEL1L3	11.0858	5.67242	-0.966682	0.00134142
IDH3A	15.691	27.7504	0.822569	0.00134142
TSN	22.3497	25.6187	0.19694	0.731346
NFKB1	7.80853	11.7186	0.585677	0.0222212
MEMO1	28.466	28.8793	0.0207925	0.991767
FKBP1A,SDCBP2	140.391	174.344	0.312486	0.411923
KIAA0317	5.51272	8.12426	0.559473	0.0423316
NAA60	23.8663	27.6079	0.210109	0.708504
PIGK	3.58236	2.28145	-0.650961	0.0278845
FRMD8	12.1109	27.2054	1.16759	0.00134142
APAF1	1.58903	1.05035	-0.597284	0.290965
GFD02	16.6157	28.7007	0.788537	0.0101293
YIPF5	7.66601	6.26239	-0.291763	0.506538
PEX16	27.042	20.8164	-0.37748	0.29298
TMIE	0.312133	0.0679143	-2.20037	1
DTX3L	1.85925	1.97256	0.0853436	0.966946
PPM1H	1.59136	0.958159	-0.731925	0.0283563
SSBP4	69.4117	98.9317	0.511254	0.0778493
TMEM55B	31.9669	33.7327	0.0775684	0.955799
CCDC117	4.72842	5.18728	0.133618	0.894319
EXOSC2	33.8592	47.2709	0.481404	0.0870955
LOC646762,ZNRF2P2	2.22895	2.0905	-0.0925214	0.955758
HIVEP2	2.2431	1.21517	-0.884337	0.00134142

PDIA6	153.813	171.852	0.159985	0.832722
ZNF407	0.821061	1.53532	0.902975	0.00134142
MRPS25	13.0249	14.4755	0.152346	0.914041
SAR1B	3.50178	4.01321	0.196667	0.748691
GAS2	0.0675516	0.0936879	0.471873	1
TRMT61A	15.4432	33.7586	1.12828	0.00134142
AIFM2	23.0453	18.4122	-0.323806	0.498673
SMARCC1	20.1364	18.6704	-0.109055	0.916969
INTS10	26.8268	38.492	0.520884	0.0566185
RARS	36.6961	42.4386	0.209752	0.686445
USF1	23.195	36.1402	0.639794	0.00743393
UBP1	17.4738	25.389	0.539013	0.0410573
GEMIN5	5.69305	11.2328	0.980439	0.00134142
PPM1B	9.35823	6.978	-0.423422	0.298465
PSMD10	30.8992	28.7225	-0.105384	0.922024
SYNC	30.0229	24.8283	-0.274079	0.712164
ERCC8	3.63963	2.72965	-0.415075	0.349479
DCAF12	10.7535	12.5094	0.218205	0.679455
PTPN11	10.8548	13.4539	0.309694	0.39314
MRPL51	232.51	298.711	0.36146	0.275929
TSEN54	34.2714	56.6233	0.724392	0.00134142
ANKRD27	7.40374	10.0911	0.446761	0.134015
MORF4L1	80.8904	80.306	-0.0104605	0.996079
SNRPF	152.074	179.946	0.242793	0.602221
THRAP3	27.3057	22.7794	-0.261471	0.539856
FAM73B	20.488	29.8708	0.543956	0.0439989
HEXIM1	14.6875	18.979	0.369817	0.259619
TUBB2A	14.2081	30.8684	1.11942	0.00134142
PPP1R16A	38.7352	55.564	0.520504	0.0645318
PCBD2	3.10817	2.4905	-0.31963	0.605975
ALDH4A1	15.7071	14.9659	-0.0697333	0.963669
NAF1	9.16056	10.9413	0.25627	0.631941
PRPF18	11.2442	11.3407	0.0123352	0.995957
KDM3B	8.07549	6.71945	-0.265208	0.540366
SIMC1	10.1869	12.1667	0.256222	0.622505
NDUFA1	307.368	341.275	0.15097	0.870466
LRRFIP1	11.831	10.0117	-0.240883	0.629756
SLC38A9	4.72158	3.24565	-0.540761	0.13087
MRS2	8.5836	11.8744	0.468195	0.115185
CENPV	69.3673	92.6116	0.416938	0.164416
LSR	57.6272	57.0846	-0.0136506	0.994615
PSMD9	35.5756	49.8632	0.487089	0.0841079
DTYMK	81.3997	110.683	0.443339	0.12752
PTPDC1	1.98931	0.8384	-1.24656	0.00134142
RRN3	14.5942	15.4862	0.0855902	0.944284
SDF2L1	91.4439	178.474	0.964752	0.00134142
RSBN1L	2.85021	3.04279	0.0943228	0.966946
SPTBN1	9.97492	7.99048	-0.320022	0.374382
SUMO3	35.5843	37.4503	0.0737343	0.955758
ATP11C	1.99592	2.01865	0.0163375	0.994615
CSNK1G2	39.3043	54.431	0.46974	0.0972878
LOC283693	0.0480763	0.0211905	-1.18191	1
TMX3	5.17008	4.71334	-0.133438	0.880645
TTLL5	2.72557	1.97546	-0.464365	0.200886
SLC2A9	0.0505482	0.0148023	-1.77184	1
MAFG	10.439	10.7795	0.0463065	0.979484
KIAA1704	2.79469	2.92372	0.0651151	0.979701
CTNND1,TMX2	67.934	82.5772	0.281608	0.804951
GORASP2	37.2781	44.6041	0.258848	0.537216
FUT8	2.43919	2.74784	0.171895	0.844167
EWSR1	113.983	144.743	0.344674	0.325034
CSNK1G1	2.1048	1.92105	-0.131783	0.898711
AGPAT6	17.1762	21.5965	0.33038	0.354465
PSMA2	104.308	105.645	0.0183755	0.99316
CLASP1	3.35794	2.71107	-0.308713	0.46195
DEK	49.0369	42.0063	-0.223262	0.664504
ZNF703	6.0261	7.34332	0.285209	0.735932
VWA8	2.07477	1.80078	-0.204329	0.870173
TCEA1	54.3071	34.5099	-0.654132	0.0101293
TP73	4.25189	4.76746	0.165119	0.846469
ERLIN1	18.4093	13.5359	-0.443642	0.130554
PUF60	235.842	356.806	0.597321	0.0222212
RSAD1	32.4114	33.7178	0.0570087	0.972989
RHNO1	8.75893	5.3597	-0.708602	0.647747
NUPL1	12.0091	10.7288	-0.162636	0.819877
SNRNP200	29.147	26.7479	-0.123925	0.893337
YIF1A	81.4458	85.7389	0.0741083	0.956807
SLC4A11	12.0757	19.2223	0.670677	0.0120701
TMEM198	2.86323	3.16359	0.143915	0.937419

TMEM65	5.45943	3.3856	-0.689338	0.0120701
LONP1	110.494	82.1652	-0.427375	0.152605
H3F3B	211.117	220.221	0.0609092	0.972111
ABHD11	20.0097	25.2445	0.335272	0.430271
MRPL47	39.931	44.2339	0.147642	0.845125
PKNOX1	2.28275	2.64229	0.211017	0.774191
FAM117B	1.50355	1.23578	-0.28295	0.651901
XPO1	29.2689	25.2288	-0.214295	0.688363
C12orf44	74.6758	96.4533	0.369191	0.252563
TONSL	28.1288	39.3345	0.48375	0.0865352
TMEM140	0.567126	0.707064	0.318173	0.979701
IGHMBP2	6.78482	7.89161	0.218008	0.731614
DDX18	16.0198	21.3724	0.415895	0.158178
GTF2B	18.5177	14.0078	-0.402675	0.218319
ZNF669	2.16486	1.62136	-0.417073	0.498883
HN1	145.085	181.211	0.32077	0.385425
FLJ39051	2.11139	1.57858	-0.419564	0.97028
PAPOLA	26.9058	29.9458	0.154433	0.833863
AKIRIN2	20.0243	14.7654	-0.439527	0.187886
GPR107	16.977	12.254	-0.47032	0.0938606
LOC100129034	19.4996	17.5291	-0.153697	0.954677
C17orf49,RNASEK	446.309	449.797	0.0112325	0.996079
HIGD1A	16.5194	20.2376	0.292875	0.44885
THOC7	39.8613	39.1578	-0.0256899	0.989869
AAR2	19.5461	21.5932	0.143692	0.850947
KIF26A	3.01836	4.55211	0.59277	0.0732879
AGPS	3.92018	4.15114	0.0825882	0.950929
SLC43A1	28.8935	15.3838	-0.90933	0.00134142
PSMA5	32.215	38.4705	0.256021	0.572211
ZFAND3	22.9133	16.758	-0.451336	0.125756
SLC25A10	80.1005	89.6357	0.162262	0.81342
TIMM21	16.8517	23.293	0.467001	0.124319
TMEM184A	4.80872	7.32212	0.606608	0.145048
TMEM116	4.90699	1.79661	-1.44956	0.00134142
MATN4	0.0601891	0.0817518	0.441749	1
NDUFC1	214.36	216.182	0.0122079	0.996648
UBXN2A	5.22598	3.58819	-0.542445	0.11492
SERINC3	19.5236	9.11066	-1.09959	0.00134142
RNF138	8.37596	8.20584	-0.0296043	0.988657
ARHGEF2	53.2475	22.3073	-1.2552	0.00134142
UFD1L	31.0023	40.8625	0.398401	0.194171
LINC00467	8.61145	4.79193	-0.845648	0.0292254
NARR_RAB34	0.0912712	0.0321709	-1.5044	1
HNRNPR	51.2435	78.1207	0.608335	0.0183825
CENPJ	1.3478	1.91786	0.508891	0.158777
COX19	4.57361	5.01817	0.133828	0.892588
LIME1	7.68772	12.2773	0.675362	0.0909525
ATG7	5.30767	3.64532	-0.542032	0.387171
ISCU	60.3937	59.3111	-0.0260969	0.98986
RNF20	6.73317	5.30842	-0.343003	0.368292
C4orf29	0.775729	0.559955	-0.470244	0.832662
BTG3	28.3748	29.1603	0.0393953	0.982703
HNRNPL	201.391	172.425	-0.224033	0.67146
COQ10B	19.9475	15.5496	-0.359333	0.295347
PPP5D1	0.165324	0.193691	0.228461	1
MBOAT2	5.25413	4.14838	-0.340903	0.400128
SAP18	45.8827	54.1972	0.240268	0.603292
UPP1	597.907	268.302	-1.15607	0.00134142
RBX1	75.1904	81.5138	0.116495	0.906892
APITD1,APITD1-CORT,COF	11.0632	16.0682	0.538436	0.113441
TVP23B	8.36024	7.08506	-0.238764	0.691693
RFWD3	8.76042	9.73704	0.152483	0.836632
TPH1P2	0.186862	0.144571	-0.3702	1
FCF1	11.6567	11.3155	-0.0428565	0.981753
CCT3	330.145	387.074	0.229513	0.674264
ANKRD16	12.9851	11.9855	-0.115564	0.979701
COX10-AS1	1.16052	1.01836	-0.188536	0.977103
GDPD1	3.3278	1.36398	-1.28675	0.00134142
TECR	130.255	136.072	0.0630337	0.966946
SCAF1	17.8576	24.8884	0.478932	0.102329
POLR3K	36.9516	102.028	1.46526	0.00134142
TSSK3	1.24775	1.20223	-0.0536251	0.989344
SGPP1	5.69901	5.77993	0.0203399	0.99316
CTAGE5	5.48259	3.48537	-0.653546	0.0340561
PPCDC	6.53907	4.86316	-0.427191	0.295777
KIAA0020	15.2904	22.4724	0.555526	0.0349222
SRI	76.5871	69.9746	-0.130269	0.906464
LYPD6	0.997784	0.79952	-0.319593	0.650855
TMEM62	9.55312	6.39815	-0.578317	0.0531423

SNRPE	69.2514	82.9511	0.260418	0.537947
TEX30	0.217357	0.514605	1.2434	0.156099
GOT2	89.0735	96.8971	0.121458	0.896485
BRIX1	35.7503	57.8003	0.69312	0.00243047
ITGAM	0.0179023	0.0218916	0.290234	1
LOC401052	1.7972	2.28851	0.348662	0.664776
USP7	17.4586	21.133	0.275561	0.493822
C14orf169	13.2242	18.295	0.468266	0.148987
ILF2	151.827	192.089	0.339352	0.363528
SLC2A6	19.709	52.91	1.42469	0.00134142
ZUFSP	5.94684	5.70355	-0.0602641	0.976595
RAD51AP1	5.74854	4.96387	-0.21173	0.757141
OAF	53.2331	55.8786	0.0699703	0.96103
UBE2MP1	3.52784	4.47694	0.343728	0.68115
ANAPC13	34.7665	36.377	0.0653282	0.971373
PDE12	9.46638	13.7511	0.538657	0.052
CASP4	141.737	92.849	-0.610256	0.0183825
NFC	9.83194	9.92738	0.0139375	0.994615
TTC9	0.694222	0.355845	-0.964151	0.0245451
XRCC5	82.9785	81.0889	-0.0332322	0.986822
PA2G4	128.646	170.31	0.404753	0.202623
ZDHC5	19.764	20.5747	0.0579955	0.970558
ACTB	2116.8	2855.35	0.431786	0.252563
WDR45	40.8598	31.7587	-0.363533	0.285331
DEPDC5	1.52661	1.31375	-0.216641	0.813072
SLC25A28	20.1452	22.4627	0.157091	0.845969
UBAC2	22.2084	16.3742	-0.439687	0.143695
UPF2	5.34386	7.09431	0.408779	0.19102
ARPC1B	164.719	190.802	0.212072	0.890667
ZFP69	1.89129	2.6183	0.469256	0.29688
RUSC1-AS1	11.7044	15.517	0.406806	0.935939
UBE2B	23.3806	17.4172	-0.424795	0.155066
E2F4	57.7339	96.636	0.743142	0.00134142
ETV4	74.5395	40.5701	-0.877589	0.00134142
HIST1H2BJ	2.56191	4.91804	0.940866	0.187511
IQCJ,IQCJ-SCHIP1,SCHIP1	7.50302	6.42082	-0.224715	0.757853
DFNB59	0.709025	0.292044	-1.27965	0.925586
PIH1D1	104.484	91.0344	-0.198803	0.727505
TIMM50	57.247	61.9226	0.113265	0.909435
FAR1	6.92715	8.66467	0.322883	0.371065
ST5	1.6701	2.06617	0.307024	0.686668
C6orf211	5.40264	4.50543	-0.261999	0.637163
RCC1	118.777	130.681	0.137791	0.872284
JAZF1	2.35875	2.30749	-0.0316976	0.990324
EIF4A1,SENP3	901.912	907.037	0.0081743	0.997036
DHRS4L1	0.194958	0.0698533	-1.48076	1
NANOS3	3.00372	4.35932	0.537353	0.457353
CDC23	8.43155	8.40442	-0.00464908	0.998342
HIST1H1C	134.051	119.024	-0.171532	0.802008
GPS2	42.9372	49.9529	0.218342	0.674962
GALE	94.3153	55.3746	-0.768268	0.00243047
KIAA1524	2.25049	3.43899	0.611744	0.103887
PLCD4	0.409278	0.770907	0.913475	0.0775297
C22orf46	1.62709	1.30758	-0.315397	0.563967
C9orf64	10.1597	9.70812	-0.0655875	0.968858
TJP1	5.54103	6.01509	0.118434	0.905942
ZNF575	0.945478	0.439314	-1.10579	0.185878
CRNDE	21.8347	16.7055	-0.386297	0.376157
ZC3H18	9.25713	14.867	0.683478	0.0114515
C19orf10	164.375	195.894	0.253082	0.571203
FSBP,RAD54B	4.52989	4.13178	-0.132711	0.909694
IGSF9B	0.143297	0.16573	0.209828	1
LRRC69	0.153466	0.235951	0.620569	1
TOR1A	42.1682	54.1311	0.360302	0.275042
PYCR1	23.3663	37.7292	0.691252	0.00593755
CNDP2	17.223	21.1359	0.29536	0.450737
KIF2A	5.61465	5.0944	-0.140283	0.877187
LOC286190	0.00938519	0.00452995	-1.05089	1
UTP18	40.8213	49.817	0.287315	0.465131
PSMC2	35.1757	37.6092	0.096505	0.930157
ST6GALNAC4	228.185	522.39	1.19492	0.00134142
WDR53	2.90259	3.7474	0.368552	0.536279
HRAS	48.483	84.9066	0.808398	0.00134142
GUSBP1	2.89771	3.35724	0.212363	0.854334
SPAST	2.10212	2.51733	0.260051	0.642142
SCLY,UBE2F	32.9493	42.1787	0.356265	0.281574
TERF1	13.8252	13.5437	-0.0296882	0.987693
GCDH	31.0825	31.8287	0.0342252	0.986822
SGPL1	8.09106	6.54276	-0.30643	0.420042

PSMA1	151.215	156.727	0.0516482	0.976618
LOXL3	6.24546	8.41605	0.430334	0.931471
LIMK2	10.4415	9.62415	-0.117594	0.913628
ZW10	4.94858	5.3589	0.114923	0.921861
ARHGEF1	46.1309	46.5195	0.0121017	0.995302
SLX4	1.55133	1.5711	0.0182633	0.99449
PSMD6	88.943	93.3677	0.0700417	0.961224
PRDM7	0.0155468	0.0032917	-2.23971	1
ACIN1	64.6889	74.0591	0.19516	0.852548
ASUN	8.65931	6.05813	-0.515378	0.0941664
CLPTM1L	52.0069	82.8459	0.671725	0.0120701
PRPF38B	11.1768	16.225	0.537715	0.0511722
ADRBK2	0.492235	0.535474	0.121469	0.94404
NFATC2IP	10.0322	9.32007	-0.106224	0.921047
TFDP1	24.8296	43.0202	0.792951	0.00243047
RNF149	16.7546	12.8516	-0.382608	0.249084
STAMBP	6.29824	3.58148	-0.814392	0.00134142
RNPS1	149.224	189.427	0.344166	0.328112
CD9	294.795	226.261	-0.38172	0.243457
LIF	19.8982	20.8795	0.06945	0.961331
SGOL1	3.31423	3.02863	-0.130011	0.92969
SLC35C1	11.3329	25.4078	1.16475	0.00134142
PANK3	3.10888	2.75755	-0.173011	0.85377
NSUN5	32.3741	36.9458	0.19057	0.752981
ATP6V1C1	16.7389	17.1506	0.0350578	0.985982
TSSC4	45.3469	67.7843	0.579947	0.0235476
DHX15	37.6323	48.5614	0.367839	0.267105
C12orf45	54.6573	46.4926	-0.233412	0.674264
CASP2	13.5949	16.4412	0.274252	0.509535
PTPN1	21.6933	22.513	0.0535073	0.975831
MRPS35	39.8926	35.7464	-0.15832	0.823266
NUP188	33.8262	43.0741	0.34868	0.36389
RAD54L	10.3013	9.88666	-0.0592777	0.988165
USP43	1.39188	1.28299	-0.117524	0.95467
L3MBTL2	11.0018	21.3305	0.955174	0.00134142
AGAP5	0.755137	0.521176	-0.534966	0.482416
ERLEC1	13.2466	11.3272	-0.225833	0.774191
SLC25A33	24.3832	27.3333	0.164767	0.828589
RHOBTB2	4.35611	5.39831	0.309469	0.935328
HAUS7	22.0553	28.2955	0.359448	0.342445
FBR5	25.1556	24.6329	-0.030294	0.987693
ATXN2	6.19305	5.39154	-0.199953	0.754447
PON2	37.9268	36.0053	-0.0750065	0.955544
GTF2H1	10.9023	11.4449	0.070064	0.960591
RHBDD1	3.27118	1.98855	-0.7181	0.0205623
PVRL1	10.4133	17.564	0.754199	0.030994
TDRD6	0.0308089	0.0210317	-0.550781	1
DNTTIP1	87.7575	43.6222	-1.00846	0.00134142
SLC9A1	9.86562	14.1751	0.522881	0.0584113
PPM1G	125.132	144.451	0.207135	0.701805
ECM1	1.55338	1.38158	-0.169087	0.922257
RAB6B	0.574652	0.805118	0.486512	0.355611
LSM6	27.8981	35.5304	0.348886	0.365353
FIP1L1	9.46821	7.94903	-0.252314	0.633551
PRELID1	196.122	271.971	0.471705	0.218449
PCF11	3.36291	2.91087	-0.20826	0.739702
DDN	5.47538	5.53312	0.0151346	0.994978
CDC42EP1	130.326	80.5868	-0.693515	0.00425224
FARSA	98.816	143.89	0.542153	0.0423316
WBP4	4.781	3.55635	-0.426915	0.276007
NUDT9	8.16287	9.72058	0.251966	0.605597
TUBGCP3	3.98182	3.55164	-0.164942	0.855662
CSE1L	49.5092	41.6643	-0.248887	0.581733
BICD2	12.0515	16.6968	0.47036	0.098844
DNAJC16	2.34833	2.5917	0.142266	0.946765
PHACTR4	4.58155	4.3635	-0.0703502	0.96275
HOXA7	14.3706	14.1103	-0.0263792	0.993379
FAM114A2	3.95145	2.91308	-0.439835	0.249983
MED20	4.22376	2.4428	-0.789994	0.0145499
MGC45800	0.839854	1.03152	0.296559	0.721145
EXOSC3	19.3854	29.9378	0.626998	0.0132924
IFI16	38.9212	24.4418	-0.671204	0.00425224
IFITM3	367.375	422.462	0.201569	0.716114
LMO4	5.19952	2.08615	-1.31753	0.00134142
FAM86A	11.4641	20.0675	0.807738	0.021138
XYLB	1.79546	1.16445	-0.624697	0.123604
EXTL3	16.1986	21.0931	0.380907	0.344674
HBA1	0.302906	0.802412	1.40548	0.470491
PBRM1	1.99073	2.03297	0.0302928	0.989268

RHBDF1	21.0271	11.9656	-0.813351	0.00243047
IL17RA	3.91152	5.12409	0.389567	0.238477
ABCD1	11.9309	20.5493	0.784389	0.00134142
HJURP	17.38	14.8726	-0.224775	0.671358
TRAF4	23.2384	34.6726	0.577288	0.0235476
COQ4	82.8777	78.075	-0.0861237	0.945946
KIF22	65.5915	74.2809	0.179482	0.773208
PRKDC	11.7394	9.70306	-0.274849	0.509535
LOC729737	0.236983	0.143018	-0.728588	1
ABTB2	2.27326	4.98699	1.13341	0.00134142
CDC40	4.77301	3.58068	-0.414664	0.232758
SLC25A14	6.24053	6.5689	0.0739836	0.967901
RFXANK	42.9638	41.0722	-0.064957	0.983952
LAS1L	27.6391	27.4513	-0.00983933	0.996453
DHDDS	7.38891	7.8206	0.0819178	0.956752
ERGIC2	17.7167	14.1055	-0.32885	0.369215
POFUT1	7.64483	7.62732	-0.00330731	0.998514
MTFR1	16.0815	15.9309	-0.0135744	0.994615
G3BP1	38.0016	64.0789	0.753787	0.00134142
SLC9A6	2.36355	2.46211	0.0589396	0.977652
NUPL2	11.3834	12.9482	0.185819	0.790844
TPST2	17.2585	21.397	0.3101	0.452642
DBR1	5.82538	6.44884	0.146687	0.87488
PRDX3	97.8418	100.312	0.0359777	0.984917
PHF6	4.3732	3.75699	-0.219112	0.709472
OIP5-AS1	10.1014	8.94968	-0.174647	0.826656
MLF2	217.458	278.113	0.354932	0.30509
SLC16A9	3.37908	3.32355	-0.0239043	0.992651
DUT	48.2159	44.6197	-0.111827	0.913628
CNOT4	4.59844	3.71876	-0.306321	0.561351
C6orf136	28.4335	26.9202	-0.0788999	0.979733
BMS1	9.29268	14.8814	0.67934	0.00743393
C1GALT1C1	9.20505	11.6583	0.340857	0.403093
PRAM1	0.199923	0.0859006	-1.2187	1
TBC1D20	12.0788	9.64234	-0.325023	0.3703
SASS6	1.66819	1.50283	-0.150594	0.902978
SNRPD3	44.9584	56.2424	0.323068	0.36192
SNAP23	24.8557	29.229	0.233819	0.638558
OXNAD1	1.99907	1.93654	-0.0458455	0.985094
VARS	62.027	57.0572	-0.120486	0.900463
AKIP1	24.5517	18.042	-0.444468	0.187039
RRP36	31.0622	61.1939	0.978227	0.00134142
VANGL1	1.84713	1.99732	0.112785	0.924371
TP53	30.6282	15.5026	-0.982351	0.009453
CENPL	4.47822	3.29086	-0.444461	0.29743
IPPK	7.45815	11.0273	0.564188	0.274686
SLC25A19	27.4835	51.2741	0.899664	0.00134142
C19orf48	369.246	285.474	-0.371223	0.266094
MAD2L1BP	41.6882	49.6887	0.253281	0.571704
HERPUD1	64.4075	15.1732	-2.08571	0.00134142
TRAF2	40.9233	81.1264	0.987248	0.00134142
SPCS3	17.8977	22.0654	0.302006	0.420042
CLDN12	14.3554	9.32276	-0.622764	0.0172978
TIMM13	92.1886	139.571	0.59834	0.0162707
NDUFAF2	105.754	128.274	0.278524	0.482596
KCNK15	0.0973432	0.0485103	-1.00479	1
BUB3	120.339	122.414	0.0246612	0.991094
RRP7A	27.6278	49.0416	0.827886	0.00134142
SEMA4A	0.0293915	0.0160927	-0.868993	1
LETM2	4.03423	4.58492	0.184601	0.851389
MFSD9	1.93171	2.56579	0.409525	0.435326
WDR73	10.6372	15.3283	0.527082	0.0817307
NDUFS8	205.927	195.772	-0.0729579	0.958201
RAN	413.701	550.588	0.412384	0.194995
ZNF263	13.1762	18.5857	0.496261	0.0792619
AZI2	17.4214	8.94895	-0.96107	0.00337323
PJA1	8.63979	8.71457	0.012432	0.996079
SLC35B4	3.59829	4.29134	0.254113	0.609835
CEACAM19	12.9006	11.4087	-0.177306	0.806888
CSNK1A1	34.127	20.5287	-0.733273	0.00134142
DFIT1	66.5987	83.0211	0.317985	0.385425
PCNT	2.38229	2.1711	-0.133919	0.893663
CLTB	138.604	186.57	0.428741	0.139762
BTN2A2	3.581	2.57697	-0.47469	0.232929
RECQL4	33.1279	49.8229	0.588763	0.0205623
PIGW	5.18337	11.9552	1.20567	0.00134142
DLEU1	7.91154	14.0235	0.825813	0.240573
INPP5K	15.804	9.85062	-0.682006	0.00882987
NELFCD	42.6085	47.5052	0.156944	0.827004

BCL11B	0.168333	0.0462013	-1.86532	1
UBLCP1	9.77198	12.5704	0.363302	0.294609
NDUFS1	11.7461	8.40553	-0.482768	0.101333
FAM49B	24.7727	28.2834	0.191203	0.74397
DNAJC3	7.5143	7.97831	0.0864437	0.945946
LBX2-AS1	8.92639	5.93284	-0.589355	0.44093
TAF1B	4.0271	3.6433	-0.144494	0.901454
TUBA1B	804.533	1173.98	0.545181	0.0694871
CCZ1B	7.36714	7.41182	0.0087219	0.997036
CCPG1,DYX1C1	3.59229	2.04058	-0.815924	0.114012
FAM177A1	5.0138	5.61163	0.162516	0.844123
RAB21	13.9354	14.2979	0.0370506	0.985921
CTR9	9.51842	10.2757	0.110439	0.91373
SHMT1	19.5358	15.8087	-0.305407	0.599424
DCUN1D1	3.91605	3.13729	-0.319882	0.480572
MMD	2.93094	2.43437	-0.267813	0.702128
CTNS	5.2461	8.05024	0.617787	0.751467
UROD	153.339	172.812	0.172481	0.79799
PMM2	22.5269	34.6913	0.622923	0.0194494
IREB2	4.21757	4.36964	0.0511021	0.977332
FBXL17	1.22888	0.812325	-0.597215	0.168166
TPCN2	3.35787	2.57993	-0.380213	0.384483
FAM69A	2.83921	2.79127	-0.0245697	0.99714
POLR3G	4.1604	8.28661	0.994059	0.00134142
AKNA	4.16511	1.49092	-1.48215	0.00134142
ACLY	36.9856	43.8513	0.245656	0.606811
GCN1L1	15.6994	17.7966	0.180892	0.769276
BLOC1S5,EEF1E1,TXNDC5	133.057	176.495	0.407587	0.267079
MYH10	0.0967439	0.142204	0.555716	1
ABHD6	6.36172	8.8614	0.478119	0.170154
CAPN8	0.032302	0	#NAME?	1
CCM2	23.0053	28.1007	0.288638	0.503409
SLC39A6	22.1842	25.5104	0.201551	0.707294
ENOSF1	16.8498	17.3079	0.0386992	0.986822
LOC100505978	0.0960196	0.0941733	-0.0280115	1
CD83	4.93556	6.69238	0.439304	0.232252
IFRD2	91.718	156.1	0.767194	0.00134142
NEDD1	4.32695	3.30911	-0.386907	0.29342
CORO1C	104.232	103.766	-0.00646564	0.997036
CLDN2	0.0452329	0.0509201	0.170861	1
RNF126	84.9448	102.598	0.272404	0.5127
SCPEP1	12.1605	8.50554	-0.515722	0.0925999
G6PD	25.8501	31.4058	0.280865	0.627251
UTP15	4.03445	6.62524	0.7156	0.010797
STYK1	0.199518	0.0423993	-2.23441	1
KCTD14,NDUFC2,NDUFC2-	24.3149	32.0186	0.39707	0.462141
TMED8	0.252734	0.276541	0.129876	1
NACC2	8.4772	13.9177	0.715262	0.00243047
VARS2	17.8823	15.5022	-0.206055	0.714085
ALG5	36.3118	28.4489	-0.352066	0.313367
COG8,PDF	32.4991	40.4135	0.314439	0.821056
SLC25A22	22.6235	44.9512	0.990538	0.00134142
XKR8	12.8655	13.5803	0.0780035	0.959465
SEC61B	260.078	373.892	0.523677	0.0504457
NRL	0.538376	0.466581	-0.206485	0.944601
FPGT,FPGT-TNNI3K,TNNI3	1.52137	1.09357	-0.47632	0.262317
NCAPH	5.54443	5.18727	-0.0960637	0.939631
OAZ1	994.723	1257.53	0.33823	0.360219
LOC283335	0.382991	0.362433	-0.0795936	0.969728
UTP6	21.0108	22.7829	0.116822	0.906895
PDAP1	108.084	123.034	0.186913	0.845153
CSPG5	1.47204	1.74161	0.242605	0.84403
HOXD-AS2	8.54788	6.27932	-0.444959	0.609543
CYB5B	14.4529	16.4845	0.189758	0.744425
ANKRD61	0.14033	0.248391	0.823786	1
SOAT1	3.78902	4.11492	0.119039	0.910376
DENR	23.1012	21.779	-0.0850357	0.94678
LIMA1	4.6699	4.69961	0.00914957	0.997036
IHH	0.0742996	0.320423	2.10855	1
LTBP1	1.68839	0.896017	-0.914047	0.00593755
NVL	6.74911	8.03914	0.252344	0.631187
C8orf76,ZHX1,ZHX1-C8ORF	37.9996	47.7218	0.328664	0.41953
SSRP1	113.909	106.921	-0.0913354	0.939418
TXN	877.341	1075.37	0.29363	0.466904
LIMD1	5.01414	6.71915	0.422276	0.299254
RPGR	1.3613	0.99874	-0.446802	0.406576
ZC3H15	32.5487	38.3564	0.236871	0.612206
HES6	162.2	256.89	0.663378	0.009453
NFKBID	2.43456	4.78429	0.974647	0.0132924

C16orf72	8.37284	6.58062	-0.347494	0.33875
PIGB	3.21515	2.15224	-0.579049	0.568626
TMEM208	88.3032	125.388	0.505857	0.0688198
NAA50	19.1982	35.1269	0.871603	0.00134142
NMT1	22.806	25.4574	0.158672	0.817762
ACSL1	8.71017	12.9283	0.569756	0.0314167
RM12	7.50587	4.33587	-0.791696	0.0297125
HSPA4	45.1746	72.1972	0.67643	0.009453
KIAA0586	0.587705	0.383378	-0.616325	0.811161
NDUFB6	66.7095	69.257	0.0540664	0.974044
HIST1H2AD,HIST1H3D	3.29616	4.54983	0.465028	0.631465
MICB	8.83475	15.7894	0.837692	0.00243047
HIST2H2BE	6.53876	5.98527	-0.127601	0.920028
PSMD7	52.4853	48.554	-0.112323	0.907689
RPA1	15.523	15.8192	0.027266	0.989268
RIOK2	7.26021	6.5322	-0.152442	0.85421
ACE	4.3995	2.85582	-0.623435	0.0835598
MEF2B,MEF2BNB,MEF2BN	15.3509	16.2567	0.0827177	0.989268
CWC25	7.25834	7.65178	0.0761562	0.958814
PRKX	6.49471	6.60264	0.0237773	0.990994
DLAT	5.05604	5.71141	0.175839	0.820463
MICALCL	0.337826	0.201187	-0.747748	1
MMS22L	1.38385	1.06066	-0.383729	0.348936
DIRC2	11.5959	4.4429	-1.38405	0.00134142
BAK1	53.8742	77.5708	0.525919	0.0539552
CNOT6	5.49767	5.82234	0.0827788	0.950929
POLE3	46.5162	73.6363	0.662682	0.00882987
TIPRL	11.1126	8.49891	-0.386847	0.263143
PFND6	109.994	126.376	0.200291	0.72393
TIMM44	31.4749	34.5222	0.133324	0.881073
HES7	13.3879	19.2688	0.525342	0.123604
PLEKHM3	0.372797	0.130302	-1.51653	0.00243047
THBS2	0.384307	0.505144	0.394435	0.624281
ZNRF3	1.66005	2.42684	0.547851	0.108427
LOC100505933	0.0473023	0.0229004	-1.04654	1
UTP14A	11.2281	15.1488	0.43208	0.162218
POLR3D	27.7836	28.001	0.0112427	0.995528
HMGCS1	3.08563	5.12816	0.732876	0.00743393
SRP19	21.407	31.3453	0.550166	0.467588
TRIM23	1.76099	1.66338	-0.0822695	0.978446
RND3	6.63858	4.9456	-0.424729	0.226489
C9orf156	6.50279	6.59539	0.0204008	0.99351
ZNRD1-AS1	0.588754	0.362654	-0.69907	0.616141
GAL	153.596	281.102	0.87195	0.00134142
SC5DL	2.86404	3.07794	0.103912	0.92969
SLC16A3	233.256	195.233	-0.256714	0.572217
SLC38A10	25.6456	19.7419	-0.377446	0.250623
SPEM1	0.6445	0.589146	-0.129555	0.978981
RSPH3	1.96586	1.02581	-0.938393	0.0297125
RAI14	6.07988	7.20267	0.24449	0.605597
LRRC8B	1.64187	1.91635	0.223017	0.72669
CCDC59	21.4706	23.4199	0.125367	0.895717
FANCM	0.49792	0.699579	0.490572	0.290965
HMG2	225.003	211.324	-0.0904826	0.943036
XPNPEP1	34.3977	26.4908	-0.376823	0.241608
TEX9	0.484933	0.335952	-0.529531	0.78953
NKX2-5	30.9702	33.4164	0.109678	0.92969
NIT1	34.7873	13.4805	-1.36768	0.253758
LRWD1	33.474	64.8122	0.953226	0.0172978
DIMT1	30.5422	33.5604	0.135956	0.871957
WDSUB1	6.53988	4.60673	-0.505522	0.165314
PIK3C3	8.81018	5.68223	-0.632716	0.0217078
SOD1	378.97	412.658	0.122862	0.898626
LOC100129794	1.30711	0.394704	-1.72753	0.216565
TMEM170A	5.7905	4.1809	-0.469874	0.348416
CALU	32.2054	32.8949	0.0305626	0.987858
ARMC6	24.3915	52.7366	1.11243	0.00134142
PEX5	34.6801	27.2824	-0.346134	0.321414
WIBG	18.7028	17.1416	-0.125758	0.913628
HACL1	13.38	8.45041	-0.662988	0.0194494
RABEP1	8.53358	9.61556	0.172219	0.790844
CTDP1	12.8448	17.2619	0.426414	0.18287
MANEAL	12.2832	18.1021	0.559471	0.052
DERL1	34.3445	38.1146	0.150266	0.837966
ACOT9	27.2765	23.1829	-0.234598	0.624464
TFCP2	3.03943	3.28574	0.112416	0.933827
TPMT	4.89973	5.0661	0.0481714	0.979733
MAPK8	8.55985	5.34099	-0.680479	0.0345327
UBB	1180.1	1637.03	0.472174	0.129356

SLC30A4	0.128292	0.105869	-0.277139	1
CAPZA1	82.2543	77.6641	-0.0828431	0.950929
C17orf100	0.586886	0.29242	-1.00504	0.223576
LPCAT1	29.956	47.7925	0.67394	0.00882987
REXO4	76.9559	128.323	0.73767	0.00134142
GFM1	8.34394	11.603	0.475702	0.163378
ELAC2	31.1217	44.1323	0.503913	0.0885273
MERTK	1.01033	0.652747	-0.630224	0.207314
KIAA1919	0.624264	0.530119	-0.235838	0.852548
SLC2A10	2.62587	1.3787	-0.92949	0.00425224
COX6C	410.256	430.196	0.068472	0.962215
NDUFAF4	11.0356	19.9742	0.855982	0.00134142
PCNA-AS1	58.3663	79.2176	0.440684	0.930066
WDR67	2.57211	1.80599	-0.510158	0.183686
MAP3K5	0.720511	1.12529	0.6432	0.108704
CLN8	2.47506	2.44639	-0.0168084	0.994615
FOSL1	372.945	303.184	-0.298767	0.441752
GFPT1	7.23029	4.8324	-0.581313	0.0278845
ADPRH	0.923735	0.633711	-0.543654	0.345217
ADCY3	18.7938	22.0601	0.231185	0.74878
PEX3	8.42028	6.18734	-0.444549	0.184498
MON1B,SYCE1L	10.863	9.61889	-0.175482	0.811389
FAM168A	1.67489	0.626707	-1.4182	0.00743393
FAHD1	16.261	23.3462	0.521777	0.070203
NAP1L4	52.1196	69.1098	0.407065	0.179646
NECAP1	9.0886	8.16687	-0.154275	0.851892
EMC7	99.8571	103.479	0.0514005	0.977391
LRP8	2.80286	5.77325	1.04248	0.0431891
ACVR1	5.23833	2.60857	-1.00585	0.00134142
USP10	28.8713	30.945	0.10007	0.928354
BRI3BP	15.4513	27.9188	0.85351	0.00337323
AKAP6	0.0142207	0.00274939	-2.37081	1
VPS45	6.37395	6.66947	0.0653843	0.96926
RSRC1	4.17018	3.59991	-0.21215	0.81342
PANK2	15.7002	13.5294	-0.214686	0.716794
ZNF281	2.15138	1.22698	-0.810159	0.025628
HDAC9	6.21425	0.953811	-2.7038	0.00134142
RPN1	94.5862	103.393	0.128436	0.883256
CSNK2A1	42.1499	28.2375	-0.577918	0.0240561
RRP1	54.5351	93.8661	0.783419	0.00134142
YAE1D1	12.6033	12.2175	-0.0448539	0.983118
PLAGL2	5.30797	6.13562	0.209049	0.724424
HOXB4	6.66426	8.20542	0.300134	0.598176
KLHL5	1.53338	1.20542	-0.347182	0.440749
HIST1H2AE	13.4538	10.8923	-0.30471	0.744516
FER	1.08057	0.621461	-0.798056	0.0658487
RNASEH2B	22.6669	18.8944	-0.262628	0.57289
GMPR	17.7082	11.5269	-0.619412	0.036526
C11orf82	2.32628	3.49787	0.588451	0.0713011
LINC00310	0.15435	0.119332	-0.371225	1
PASK	2.18418	2.72926	0.321416	0.557685
CASP3	6.62919	6.80292	0.0373221	0.986822
GCSH	13.5708	18.2441	0.426923	0.183567
ARMC7	9.29612	14.1766	0.608814	0.559809
NAA38	4.6196	4.11194	-0.167948	0.802508
NR1H3	3.87847	1.65235	-1.23097	0.22718
SAFB	40.6798	57.5637	0.500846	0.0764532
TXNDC9	4.36237	5.16223	0.242883	0.74078
XRCC6	224.359	236.943	0.0787336	0.954768
MTHFD1	35.0868	34.296	-0.032887	0.986822
HECW1	0.0473773	0.0251619	-0.912954	1
WRAP73	28.336	33.941	0.260396	0.55945
MCMDC2	0.200075	0.241724	0.272823	1
SLC35B2	48.0526	48.253	0.00600408	0.997082
C1orf63	13.3402	14.4672	0.117007	0.928755
ATF3	20.7177	4.92351	-2.07311	0.00134142
LIX1L	9.06356	5.40878	-0.744776	0.0297125
NUP155	6.19299	4.02769	-0.620683	0.0231741
LOC728431	0.784025	0.253605	-1.62832	0.0470437
SLC37A3	11.1732	9.82746	-0.185151	0.772137
ABCB8	5.47821	6.60583	0.270035	0.584658
C10orf25	0.44885	0.499963	0.155588	0.986822
ACTN3	0.0340101	0.0220121	-0.627669	1
KCNK5	5.11197	8.18989	0.679964	0.0231741
YBX1	710.184	858.141	0.273021	0.556606
DCTPP1	111.857	227.088	1.0216	0.00134142
KIF3C	2.95737	1.913	-0.628479	0.0562227
ATP2A2	16.2544	24.2684	0.578243	0.0231741
CHMP1A	53.3204	72.4204	0.441709	0.158178

PPIH	94.8516	98.4288	0.0534091	0.975414
MINOS1P1	0.0201596	0.0384544	0.931683	1
SLC10A7	0.645372	0.521423	-0.307676	0.745077
MED10	52.2582	63.1148	0.272322	0.52114
PMS2P4	1.56588	1.38417	-0.177958	0.953101
ABCF1	16.0235	25.1034	0.647691	0.0120701
GADD45A	149.511	55.7367	-1.42355	0.00134142
PAK1IP1	16.2814	24.7891	0.606478	0.0245451
EP400NL	0.332849	0.454419	0.449155	0.797015
WDR34	157.74	142.141	-0.150227	0.935836
PUS1	39.8239	84.2788	1.08154	0.00134142
SLC38A1	33.3094	24.6126	-0.436535	0.140867
TMEM214	32.0004	35.3715	0.144499	0.851892
HOXA-AS4	0.869346	0.767519	-0.179728	0.986822
MEPCE	61.4421	80.4989	0.389742	0.229068
SF3B4	69.0583	84.6727	0.294083	0.44093
RAB3IP	3.66226	2.48379	-0.560191	0.0386414
SYPL1	51.0459	47.9884	-0.0891117	0.938194
GET4	48.4575	66.1857	0.449798	0.119625
YARS2	36.0052	36.4777	0.0188103	0.993379
SLC18B1	10.3688	11.2588	0.118798	0.913204
RNF24	3.40197	2.37897	-0.516033	0.18287
SIK3	3.24894	2.58439	-0.330148	0.450475
C1QTNF9B-AS1	0.296356	0.605634	1.03111	0.942519
IDH3B	51.5244	53.2783	0.0482927	0.978703
FTSJ3	16.8934	27.0803	0.680786	0.281587
SH3PXD2B	3.98462	2.88333	-0.46671	0.141232
PSMC5	97.7098	113.827	0.220274	0.793371
PUS7L	2.18288	2.03472	-0.101403	0.950929
KAZN	6.1269	12.6986	1.05145	0.00134142
CDKN2AIP	6.08241	5.61047	-0.116519	0.928653
RPS19BP1	146.127	269.68	0.884029	0.00134142
ARFGEF2	1.78666	1.65209	-0.112968	0.926258
EXOSC7	74.1007	82.9082	0.162027	0.81342
ACTL6A	31.5187	25.228	-0.321184	0.398469
ICT1	51.2999	33.916	-0.59699	0.0292254
TRIM38	2.22721	1.32805	-0.745932	0.0145499
NPL	0.973581	0.802509	-0.278785	0.819681
UCLH3	51.392	73.345	0.513156	0.0611798
MRPS21	396.945	423.189	0.0923648	0.942747
BST2	452.634	560.898	0.309395	0.41836
INPP5A	7.1802	9.71283	0.435867	0.212399
SMTN	93.1312	111.082	0.254282	0.572126
PPIF	65.9844	127.199	0.946893	0.00134142
ERO1LB	1.65675	1.37283	-0.271209	0.674625
DPP9	17.7578	23.1831	0.384622	0.225213
TCEB1	67.8095	88.3346	0.381492	0.255176
RPA3	20.0386	16.6511	-0.267167	0.649372
LRP12	3.65553	2.68911	-0.442951	0.209943
BLM	2.61688	2.25796	-0.212826	0.768707
ERV3-1,ZNF117	0.854153	0.68155	-0.325676	0.723979
RER1	40.6258	42.4595	0.0636889	0.971854
PYCR2	69.751	74.4545	0.0941444	0.935062
HMGCR	5.76464	7.75923	0.428684	0.16323
SRFBP1	21.0871	13.3304	-0.661641	0.0126858
PIGS	21.4251	17.8087	-0.266717	0.547475
CLCN3	7.22442	3.70436	-0.963656	0.00134142
PSPC1	21.344	24.5352	0.201021	0.732817
CCDC51	18.0299	24.917	0.466736	0.132134
SPIRE2	9.85635	10.5418	0.0970023	0.944568
LCTL	0.52564	0.655395	0.318291	0.962247
ATAD3A	56.5203	86.6133	0.615818	0.0222212
PCDH1	5.70326	4.58354	-0.315325	0.487792
RELL2	7.64325	6.96195	-0.134696	0.967901
ATP1B3	98.6959	147.724	0.581845	0.0318033
CCDC47	22.7491	23.1555	0.0255401	0.989598
SKA1	10.3751	7.91051	-0.391279	0.264345
SERPINE1	436.869	380.365	-0.199815	0.754842
COX6A1	744.843	834.796	0.164487	0.813924
LCP1	96.9519	73.6153	-0.397264	0.219954
GOSR2	7.38519	10.6323	0.525753	0.126498
GPR125	5.52079	9.06362	0.715212	0.00818401
RHCE	0.306865	0.123224	-1.31633	1
CRYBB2	8.08782	8.90881	0.139482	0.930066
NOLC1	26.4071	42.1383	0.674206	0.00672555
CDC14A	1.04502	0.562309	-0.894095	0.0261279
SRP9	135.59	126.471	-0.100447	0.927422
PPP1CA	233.04	256.374	0.137672	0.871957
BCL2L2,BCL2L2-PABPN1,P	129.527	164.876	0.348131	0.318259

NCAPG2	11.4376	9.27351	-0.302599	0.44093
FNIP2	0.374261	0.271966	-0.460618	0.522318
ELF3	0.0654798	0.0301284	-1.11992	1
TSPAN4	57.1692	36.2998	-0.655276	0.0114515
BCL2L12	45.9991	50.707	0.14058	0.946765
PQLC2	30.6834	28.6086	-0.101008	0.930922
BANF1	285.077	341.762	0.261643	0.615468
TOPBP1	7.39383	6.78585	-0.123793	0.89748
PAIP2	52.6629	33.4464	-0.654938	0.0114515
KCNK1	15.9373	12.1662	-0.389522	0.24748
TNFAIP3	0.795178	0.73589	-0.111786	0.958201
ADAM17	3.66293	2.42124	-0.597257	0.0704662
GMDS	22.8747	18.6946	-0.291133	0.512321
VPS4B	6.5618	5.49525	-0.255907	0.622934
PSMC4	52.0391	94.0483	0.853805	0.00134142
JMJD4	19.0517	28.2253	0.567065	0.264491
NDUFAB1	189.931	237.449	0.322143	0.364877
LILRA6	0.0435769	0.0876421	1.00806	1
SURF4	185.599	262.052	0.497659	0.0873591
TXNDC17	36.7804	42.4301	0.206151	0.772137
IL18BP	1.35433	1.30777	-0.0504761	0.996453
SAE1	74.8352	84.5213	0.175599	0.78938
PVR	18.5183	20.7137	0.161637	0.819513
CBWD1	10.5125	13.0714	0.314306	0.439379
KPNA5	0.739585	0.681647	-0.117691	0.961432
PSMD3	97.0293	120.061	0.307272	0.409587
GTF2F2	26.4472	30.9319	0.22598	0.657414
ATXN2L	55.3885	32.1614	-0.784256	0.00134142
MARCH8	0.845714	0.456541	-0.889428	0.115185
TMEM175	8.18008	6.59778	-0.310135	0.613686
TSPAN7	0.781583	0.645558	-0.275852	0.857478
HNRNPH3	41.7205	49.4672	0.245717	0.605597
NDUFB2	418.124	604.452	0.531699	0.0474163
WDHD1	2.77473	2.00832	-0.466363	0.168861
RBM17	39.4227	44.92	0.188331	0.747687
SMEK2	7.60706	5.58169	-0.446637	0.140336
EXPH5	0.292752	0.169884	-0.785125	1
IL17RB	3.45891	3.3481	-0.0469732	0.985577
MRAP2	1.4583	0.818202	-0.833756	0.0648441
ATP6V1G2,DDX39B	167.687	176.541	0.074235	0.956752
MPZL1	16.6011	24.7046	0.573501	0.0274653
NFATC1	3.57162	4.01768	0.169781	0.890666
ATG4B	27.5455	30.9843	0.169724	0.805637
RP2	1.34722	0.966307	-0.479431	0.30221
SNX24	12.997	8.55342	-0.603607	0.036221
RPF1	22.8406	25.3448	0.150086	0.954768
SRM	187.556	401.812	1.0992	0.00134142
DLG5-AS1	0.925339	0.614614	-0.590301	0.307454
L3MBTL3	1.25418	1.69278	0.432652	0.330411
DPH2	23.8723	55.8722	1.22679	0.00134142
TICRR	4.01936	3.8231	-0.0722233	0.978859
PLS1	3.76296	3.17775	-0.243864	0.666069
RDH10	4.79743	8.48832	0.823218	0.00134142
SCD5	16.0655	14.0482	-0.193572	0.749584
MRPS22	48.565	35.127	-0.467337	0.0986455
TLR3	0.228955	0.103482	-1.14569	1
FAM206A	20.716	16.1502	-0.359194	0.3074
CD97	28.5659	22.9	-0.318946	0.390876
SDC1	27.97	43.4088	0.634105	0.0101293
WDR12	16.3412	14.4873	-0.173721	0.801827
FAM91A2,LINC00623	5.27202	4.40774	-0.258316	0.802508
COMMD1	27.9512	34.6553	0.310164	0.487
COPS5	69.5492	58.8039	-0.242122	0.601838
SEC23B	12.5245	11.5997	-0.110673	0.916838
SLC39A1	131.952	108.978	-0.275982	0.783569
RAB33B	1.58158	0.774237	-1.03052	0.00593755
PAPD5	1.5976	2.51176	0.652789	0.0231741
RPL7L1	17.7316	19.2484	0.118416	0.916876
NDUFB3	70.7177	67.99	-0.0567482	0.972601
MICAL3	4.22579	5.6979	0.431209	0.166676
SIRT6	31.2747	33.4973	0.0990458	0.932231
TRUB2	76.5554	72.3261	-0.0819879	0.950929
CENPM	39.1663	40.7679	0.0578229	0.976756
FANCC	3.78344	3.70407	-0.0305871	0.989365
RSRC2	24.039	24.3777	0.0201823	0.991767
PTPN7	29.1805	38.3947	0.395906	0.206153
VDR	1.56249	1.70528	0.126161	0.933023
ARHGEF16	14.2578	12.3497	-0.207271	0.740365
TTC1	47.0645	32.4385	-0.536933	0.0523239

MFAP3	3.17502	3.02268	-0.0709398	0.966946
E2F2	2.95361	3.58505	0.279514	0.599424
MRPS17	72.4879	131.465	0.858873	0.00134142
SLC30A5	6.18836	8.31752	0.426597	0.371379
DBN1	115.008	120.578	0.0682383	0.963451
TIMP1	602.173	803.524	0.416164	0.218084
MND1	38.6231	20.8138	-0.891923	0.00134142
CYP4V2	1.08192	0.546358	-0.98567	0.0162707
DNTTIP2	19.4051	32.083	0.725376	0.00337323
PPP1R3B	18.2382	5.63318	-1.69494	0.00134142
TMUB2	12.6339	10.1217	-0.31985	0.478792
ZNF562	3.6787	3.04796	-0.271352	0.568534
NHP2	262.519	350.166	0.415618	0.173795
SMAP2	16.9068	16.826	-0.00691528	0.997036
TNPO2	14.7025	26.9275	0.873018	0.00134142
DDX21	27.9966	38.6333	0.464595	0.109667
RALGPS1	1.01022	0.808906	-0.32063	0.759487
MAD1L1	10.0043	11.4085	0.189495	0.796546
SENP1	3.58742	3.6351	0.0190494	0.997036
ARPC5	33.5025	38.9816	0.218522	0.66311
KRTAP4-7	0.307347	0.0923861	-1.73412	1
HINT2	20.0262	9.71649	-1.04338	0.00425224
LAP3	27.7473	31.8387	0.198438	0.721117
ANKRD17	6.11423	5.88354	-0.0554852	0.972601
DMRTA2	7.38309	10.7568	0.542957	0.115606
HOXD1	0.147627	0.082616	-0.837462	1
GALNT2	10.229	12.0991	0.242229	0.617065
MLKL	7.71289	13.54	0.811882	0.00337323
RPN2	97.0207	93.7076	-0.0501271	0.977332
FERMT3	0.435868	0.734149	0.752181	0.887791
NOL7	125.886	141.71	0.170822	0.790844
ZNF71	4.488	5.98728	0.415829	0.292417
TTI1	6.09197	7.70444	0.33878	0.366894
TMED9	207.827	235.869	0.182604	0.772113
MRPL38	108.994	130.41	0.258811	0.550138
TUBAL3	1.0572	1.0304	-0.0370435	0.991857
HIVEP1	0.241549	0.259013	0.10071	1
DPM2	162.428	190.851	0.232639	0.633936
ARL13B	0.80955	0.917432	0.180481	0.896811
RBL1	0.677843	0.483522	-0.487368	0.401233
SHCBP1	6.18792	6.21045	0.00524243	0.99714
EHBP1	2.50593	2.22407	-0.172142	0.842533
ADCY9	1.55392	2.20247	0.503214	0.177737
PSEN2	6.71277	10.9525	0.706284	0.010797
PEMT	75.4535	82.8212	0.134413	0.875751
ADAM10	2.81312	2.05576	-0.452498	0.244595
BARD1	0.254565	0.181862	-0.485189	1
UHRF1BP1	3.6983	1.93805	-0.932258	0.00134142
EXOC5	3.64374	3.55264	-0.0365312	0.987627
UBE4A	6.77876	5.30531	-0.353586	0.858457
KATNA1	13.2803	9.78398	-0.440789	0.170338
CCDC82	2.24315	1.57299	-0.512024	0.222647
SLC7A1	19.0542	15.1332	-0.332392	0.348909
BTBD10	11.2407	9.6967	-0.213169	0.713878
SEH1L	24.3129	37.8083	0.636981	0.0222212
ACTR3	45.5932	49.5267	0.119389	0.903723
TARS2	29.641	13.7591	-1.10721	0.00134142
MFN1	6.66108	6.6615	9.12E-05	0.999929
SEC22B	13.7375	14.4334	0.0712945	0.963209
DNA2	1.20018	1.4632	0.285881	0.671358
C2CD3	0.306037	0.337993	0.143286	1
WDR77	16.9351	49.1244	1.53643	0.00509212
EIF1AX	32.7617	46.0439	0.491	0.0739785
BCAS2	26.4501	24.969	-0.0831338	0.950929
IMMP1L	5.26228	4.56535	-0.204962	0.945247
HIRIP3	11.1102	9.3632	-0.24681	0.663064
TMEM88	1.42787	1.52067	0.0908456	0.984917
CCL3L1	0.309185	0.0798572	-1.95297	1
MON1A	11.9026	31.0013	1.38105	0.00134142
GABPB1	8.27061	8.74661	0.0807308	0.970195
POMP	96.2815	142.564	0.566282	0.030165
TPM3	77.6458	93.443	0.267178	0.525963
TRMT61B	9.70197	9.76092	0.00873935	0.997036
CHCHD2	866.269	873.063	0.0112698	0.995957
NIPAL3	6.83596	2.6463	-1.36917	0.00134142
LOC286059	0.0540994	0.0105163	-2.36299	1
ETV5	14.5412	11.3379	-0.358995	0.29688
IFI27	46.395	35.2378	-0.396848	0.294485
SH3RF1	2.10374	1.84002	-0.19324	0.81526

PRRG1	2.30678	2.37597	0.0426348	0.988165
CCDC111	2.61251	1.1676	-1.16189	0.255424
ENKD1	2.21389	2.84167	0.36016	0.697734
IRX2	8.61514	10.2202	0.246476	0.71532
HLA-DOB	0.0853289	0.19134	1.16503	1
YES1	10.3104	10.0069	-0.0430987	0.979733
DNAJC13	2.72442	1.88362	-0.532446	0.0678232
GPAA1	147.804	174.383	0.238572	0.61078
RARG	10.3377	14.5843	0.496504	0.111788
LRRC8A	15.0402	19.0381	0.340071	0.329296
SAMD8	3.85174	3.1687	-0.281619	0.509306
RP1L1	0.0113422	0.0272043	1.26213	1
TSC22D4	51.3824	47.5092	-0.113068	0.912172
LLPH	60.3259	101.842	0.755477	0.00134142
SSB	51.2552	62.6962	0.290681	0.598176
ACBD6	32.4283	32.3388	-0.0039878	0.997535
NAE1	45.9461	49.2386	0.0998463	0.927082
COPS3	45.7471	49.9693	0.127362	0.884369
FOXD4	1.212	5.40189	2.15607	0.00134142
GALNT6	16.1563	11.0041	-0.554047	0.0688198
C2CD4C	11.2941	9.94214	-0.183941	0.823379
C7orf26	22.9114	33.8444	0.562852	0.0377654
TBP	10.6485	12.1029	0.18471	0.800416
FUZ	2.7977	2.27601	-0.297736	0.976756
TUBA1C	533.124	906.746	0.766227	0.00243047
FAM96A	58.7886	58.6028	-0.00456644	0.99714
ITGB1	349.451	251.706	-0.473351	0.13673
TAF3	2.84706	3.3213	0.222274	0.771625
LARS2	5.88956	6.98417	0.245929	0.631395
HDHD1	13.9404	14.7625	0.0826689	0.954559
TNFRSF10B	42.2882	34.567	-0.290863	0.535022
MCFD2	25.501	26.661	0.0641809	0.970053
UBASH3B	1.95155	2.92901	0.585789	0.0485415
ENSA	160.124	143.456	-0.158583	0.845125
DTNBP1	25.8903	20.8153	-0.31477	0.445956
RRP9	79.5772	168.39	1.08138	0.00134142
ETF1	34.1252	48.9913	0.521689	0.0587985
KIAA1407	0.242601	0.101841	-1.25226	1
CRIP1	8.30042	6.44676	-0.36461	0.373169
NAA30	3.92745	3.94917	0.00795799	0.997036
FASTKD5,UBOX5	12.3623	14.7176	0.251598	0.594487
CXXC1	25.4153	32.5272	0.355948	0.281353
C16orf74	57.6399	36.9883	-0.639999	0.0222212
ST7L	3.72957	2.24564	-0.731884	0.0245451
TMEM254-AS1	0.0297786	0.0105613	-1.49549	1
VPS37B	49.6416	49.8315	0.00550941	0.99714
SCO1	19.628	24.3764	0.312572	0.409402
C6orf203	15.4495	13.751	-0.168028	0.844957
ATP11A	2.29587	2.38289	0.053671	0.977995
CBX6	6.45212	18.853	1.54695	0.00134142
FHDC1	0.398532	0.495181	0.313258	0.732521
RPP40	10.8815	18.1225	0.735905	0.00882987
SMG9	39.2107	32.5307	-0.269444	0.521183
INTS2	1.80493	1.31468	-0.457232	0.222468
TTL11	2.49055	4.20307	0.75498	0.0835598
SPOCD1	15.0179	13.2972	-0.175555	0.790283
MAPRE1	28.4786	34.9442	0.295172	0.434948
FBXL6	59.9788	98.0841	0.709566	0.00243047
TOMM5	117.473	241.075	1.03715	0.00134142
ESAM	11.4725	6.72539	-0.770495	0.00882987
NDUFB11	149.725	153.723	0.0380109	0.983414
GDPD3	1.92018	1.59078	-0.271504	0.859569
FAM63B	0.491483	0.141731	-1.79398	0.00134142
GXYLT1	1.63611	1.52769	-0.0989242	0.944601
MMP25	3.1372	2.56096	-0.292791	0.691423
SSR1	10.7212	10.3339	-0.0530867	0.976214
NEK3	9.32284	5.15336	-0.855257	0.00425224
TADA2A	4.10482	2.39766	-0.775689	0.0423316
PAPSS2	0.166387	0.0735878	-1.177	1
UGGT1	4.18594	3.88165	-0.108883	0.917379
STARD3NL	13.0717	12.3839	-0.0779854	0.959465
ERLIN2	4.87705	3.10352	-0.652103	0.0189207
SNORA62	6.85255	7.59172	0.147788	0.99351
EFCAB2	2.00371	1.88053	-0.0915383	0.974044
POMT2	3.28605	3.72846	0.182227	0.830028
LSG1	8.12442	16.4628	1.01887	0.00134142
EGFL8,PPT2	42.9572	39.2632	-0.129722	0.950929
SCAMP2	44.325	35.4134	-0.323825	0.399303
GJC1	9.25165	5.74943	-0.686291	0.00425224

SMNDC1	52.172	60.1591	0.205506	0.702128
HNRPDL	50.4928	60.9994	0.272716	0.523387
CCDC94	22.6886	22.8035	0.0072881	0.997036
PIGQ	38.8215	28.6661	-0.437512	0.142648
NSUN3	1.53973	0.879586	-0.807777	0.320081
PSMC1	89.3249	101.13	0.179081	0.773687
KLHL2	2.86518	3.18665	0.153412	0.882983
HSPA1L	0.157105	0.157308	0.00186793	1
AGK	12.104	10.0681	-0.265694	0.571704
CD274	1.18759	0.855423	-0.473324	0.339736
GRIPAP1	12.5314	9.55877	-0.390653	0.24631
ZNF622	35.4615	30.7373	-0.206265	0.714703
LMBRD2	0.359742	0.145283	-1.30809	0.0403066
HSD17B4	12.9238	9.8767	-0.387931	0.23692
GFOD1	1.44201	1.69578	0.233867	0.844829
USP6NL	3.46492	2.53945	-0.448307	0.211132
GSS	72.2418	53.6797	-0.428458	0.153149
ARHGDI	303.115	378.233	0.31941	0.378081
SNRNP40	42.2155	46.0523	0.125503	0.890466
PYROXD1	3.09976	1.39911	-1.14765	0.0562227
SART3	12.9166	14.5889	0.175644	0.782228
CDK17	12.0073	9.17814	-0.387633	0.228416
SMARCA2	5.32387	3.03431	-0.811107	0.00243047
TRIB1	21.3742	23.2867	0.123639	0.898291
MAX	41.0909	55.7436	0.439988	0.516201
AVIL	0.278439	0.164488	-0.759382	1
RUSC2	10.9319	6.95025	-0.65341	0.0139368
ARIH2	19.6024	23.5025	0.261789	0.535493
FAM73A	1.17857	0.810151	-0.540769	0.170154
CMC1	49.7029	40.7493	-0.286555	0.536731
TXNL4A	82.924	107.231	0.370858	0.249826
ATP5G1	194.736	224.179	0.203126	0.714729
USP50	0.963543	0.660263	-0.545308	0.93549
GNL2	32.8173	33.4734	0.0285549	0.988165
ANKRD34A	2.13384	2.47227	0.212384	0.83059
KHSRP	67.8828	68.514	0.0133526	0.994615
TMEM182	0.739198	0.438462	-0.75351	0.128341
SPOP	14.1413	15.1822	0.102474	0.924847
HDHD2	4.46748	3.49798	-0.352937	0.456952
CEL	0.951856	0.91902	-0.0506475	0.98922
BCLAF1	10.5232	13.326	0.340671	0.318543
SNAPC5	9.14309	9.7343	0.0903956	0.991767
SLC25A25	18.2646	17.5203	-0.0600217	0.970053
ACTG1P4	0.0607881	0.0420823	-0.530575	1
ATG9A	29.3022	23.7425	-0.303537	0.419149
NT5C3	17.2912	16.05	-0.107469	0.919029
USP37	1.38255	1.03537	-0.417184	0.287459
TMEM161A	56.9841	47.32	-0.268111	0.52724
AADAT	6.75548	7.78134	0.20396	0.760668
RDH13	9.8571	18.962	0.943875	0.00134142
BZW2	90.8761	97.5389	0.102076	0.927082
DDAH1	21.8806	18.607	-0.233807	0.612062
MGST1	160.243	167.372	0.0627986	0.967901
FOXRED1	28.9619	20.6786	-0.486022	0.101849
EBP	82.2125	104.14	0.341099	0.317439
SPRYD7	6.50785	5.57066	-0.224332	0.697569
GKAP1	2.92224	1.81271	-0.688928	0.0897447
MRPS18A	75.6569	64.1082	-0.238963	0.609543
C17orf104	0.0930521	0.125597	0.432689	1
FABP6	14.1042	8.10319	-0.799563	0.0349222
USB1	33.5201	51.7085	0.625377	0.0120701
RSF1	2.42647	1.48327	-0.710076	0.0235476
MROH6	4.8739	8.39077	0.783726	0.0101293
RGP1	1.69149	1.32826	-0.348761	0.777414
FAM107B	8.84887	6.44888	-0.456445	0.144914
PAICS	108.536	96.3438	-0.171916	0.798756
GHITM	93.7395	82.6259	-0.182063	0.778392
LEMD2	32.731	22.1909	-0.560689	0.0326415
GMPPA	34.1378	31.9178	-0.0970051	0.93549
DNAJA3	41.0463	42.6955	0.0568344	0.972176
VASP	69.5725	77.353	0.152939	0.830101
KIN	2.07787	2.29915	0.145996	0.885618
METTL17	44.6628	42.0785	-0.0859924	0.943335
SLC38A7	2.41589	2.68256	0.151057	0.918342
FLVCR1	3.2701	5.54252	0.761209	0.00134142
FRG1	35.7643	26.5304	-0.430875	0.172302
R3HCC1L	7.60823	7.40809	-0.0384595	0.987423
TMA16	12.3795	12.1704	-0.024569	0.991459
MAP3K15	0.806913	0.920068	0.189326	0.987423

PIP4K2A	8.50131	11.8836	0.483213	0.0924793
ARID3C	0.20576	0.0901407	-1.19072	1
CTSC	53.0413	60.0187	0.178296	0.830101
HSPA13	8.0294	3.997	-1.00638	0.00134142
LOC100130705	1.09714	1.97683	0.849442	0.0390303
UFL1	4.58243	2.76474	-0.728973	0.0114515
MICAL2	4.77343	3.7944	-0.331155	0.464668
EMC8	32.4678	50.2991	0.63152	0.0114515
PDCD11	11.0469	16.7788	0.602998	0.0205623
PXK	2.19172	1.5854	-0.467214	0.400128
MCM4	44.1831	52.9836	0.262051	0.549171
DMBT1	0.0516524	0.011992	-2.10677	1
ZNF280C	1.8723	1.15604	-0.695616	0.0459324
PPP2R2D	14.7928	18.9734	0.359081	0.316696
STIP1	156.491	292.948	0.904565	0.00134142
NDUFB8	288.071	283.265	-0.0242705	0.990857
NFE2L3	3.86941	6.05136	0.645146	0.0292254
RAB8A	32.294	44.9135	0.475882	0.0835598
POR	49.5834	65.1454	0.393806	0.315584
HNRNPU	50.1405	69.0425	0.461509	0.126783
PIAL4G	0.0617088	0.261983	2.08593	1
E2F8	1.43532	1.96204	0.450987	0.32997
ZKSCAN1	2.20528	1.25273	-0.815883	0.0101293
SLC52A2	128.461	242.743	0.918106	0.00134142
LEMD1	0.0734059	0.021358	-1.78112	1
PSMD11	29.7005	40.9854	0.464622	0.0925999
SLC24A6	12.7033	12.843	0.0157837	0.99451
OGDH	7.93414	9.04129	0.188453	0.767427
SEC24B-AS1	0.526014	0.488341	-0.107214	0.980177
ATP6V0C	292.998	373.835	0.351509	0.290771
TMEM158	33.4412	42.7283	0.353566	0.348909
SCARNA12	11.1904	10.8837	-0.0400798	0.997323
SUMF1	9.56074	6.24787	-0.613757	0.0485415
HIST1H2AH	1.73423	1.82689	0.0750933	0.989514
EXOC6	3.42799	3.02658	-0.179675	0.825012
DCAF13	53.525	78.7142	0.55641	0.105593
POLR3H	23.6299	42.2821	0.839436	0.00509212
ATPAF1	27.8844	19.2449	-0.53498	0.0626518
DPP3	18.2674	18.8628	0.0462795	0.979701
RBM45	5.62493	7.60483	0.435079	0.266094
ATP1B1	9.83136	6.17428	-0.67112	0.101591
SLC12A8	4.95704	5.13776	0.0516587	0.979701
KRT80	1.11447	0.668256	-0.737883	0.12752
RASGRP1	0.715601	0.475678	-0.589169	0.245133
CCDC43	8.83473	9.40236	0.0898361	0.950684
TMEM70	33.7542	53.4994	0.664457	0.00425224
IKBKE	2.95323	2.13065	-0.470998	0.290328
PRPH	0.0996058	0.059676	-0.739078	1
ANKRD13B	10.1345	19.8805	0.972074	0.00134142
DDX5	77.7819	81.5334	0.0679555	0.962618
MGAT1	36.755	62.86	0.774204	0.00134142
EXO5	4.4755	5.26263	0.233735	0.731968
WDR18	88.7904	97.4622	0.134438	0.873144
PSMA7	320.989	423.682	0.400456	0.203111
TPD52L2	107.264	108.15	0.0118719	0.995528
TRIP4	6.33808	6.52704	0.0423825	0.985283
COX8A	1087.33	1137.46	0.0650181	0.966946
SYVN1	19.2969	18.8938	-0.0304572	0.99714
AARSD1,PTGES3L,PTGES:	35.204	33.943	-0.0526239	0.977332
PSMD2	339.676	301.707	-0.171009	0.816045
BRD2	40.5688	40.694	0.0044421	0.997342
FAF2	12.2381	10.1843	-0.265041	0.534834
GBP1	0.0421822	0.0548263	0.378234	1
CENPH	27.6755	15.3857	-0.847018	0.00134142
SLC26A3	0.0138214	0	#NAME?	1
ACADM	11.3721	9.31715	-0.287533	0.511488
PDIA5	9.07607	9.23537	0.0251019	0.991767
FGFRL1	14.9616	14.65	-0.0303625	0.987858
SLC12A6	1.26102	0.883843	-0.512725	0.83059
DEGS1	27.5142	50.6993	0.881789	0.00134142
ECHDC1	22.4191	27.5344	0.296508	0.44532
INIP	6.3432	5.04298	-0.330934	0.5209
STT3A	42.8682	40.5345	-0.0807567	0.950929
DNAJC24	3.34189	3.5465	0.0857324	0.96275
DROSHA	4.26477	4.20381	-0.0207704	0.993108
AIMP2	13.1214	14.8314	0.176736	0.976618
CACYBP	51.9436	92.174	0.827413	0.00134142
MGC72080	16.0034	13.7854	-0.215236	0.820463
ACTR1A	37.7987	57.3209	0.600724	0.0178668

MTRF1L	8.77016	10.6561	0.280997	0.500126
STXBP5	0.585067	0.631976	0.111267	0.947761
KPNA2	99.7536	171.497	0.781746	0.00337323
PSMC3IP	25.1258	31.5363	0.327845	0.706446
PDCL3	19.3222	31.5711	0.708348	0.00593755
TSPAN12	1.58837	2.13208	0.424709	0.39951
C14orf80	19.137	20.4659	0.096861	0.948088
SEPHS2	61.5633	66.7484	0.116664	0.907689
PACRGL	2.90789	3.46538	0.25304	0.749558
TRMT10B	3.13874	1.94017	-0.694004	0.0655915
ZNF714	0.567578	0.420097	-0.434096	0.394553
BCL2	2.26344	1.22941	-0.880546	0.350008
POLD1	34.2182	36.2984	0.0851419	0.947008
LSM3	122.402	140.616	0.200136	0.717812
CMTM8	17.5175	14.1114	-0.311936	0.541522
COQ3	12.6037	8.58592	-0.553801	0.0897447
GMFB	7.84139	9.11264	0.216759	0.680624
EDEM3	0.946234	1.01475	0.100859	0.952216
RTKN	22.3596	34.6803	0.633221	0.0126858
SNX4	5.62963	5.96957	0.0845866	0.95534
SURF2	83.4814	88.7417	0.0881573	0.947008
TAF15	75.7552	73.4839	-0.0439155	0.979701
ATG3	37.3737	29.4394	-0.344274	0.326714
TM9SF2	17.5022	17.9534	0.0367159	0.98468
MED17	9.73228	10.9878	0.175059	0.794296
CTTNBP2	0.710285	0.534844	-0.409279	0.500802
HM13	138.621	159.776	0.204913	0.713826
LOC440356	0.250958	0.0931755	-1.42942	1
PPIL1	26.3285	38.5687	0.550808	0.036221
GLB1L2	18.335	26.0108	0.504506	0.0658487
SGTA	81.3184	130.672	0.6843	0.00593755
ECE1	16.0117	15.8864	-0.0113338	0.995957
MSANTD1	0.157517	0.186844	0.246324	1
MAN1A2	0.9367	1.01015	0.108916	0.950929
SACM1L	5.6508	6.8121	0.269646	0.563736
MED8	23.5177	22.8647	-0.0406261	0.982907
GBP3	1.94498	2.18803	0.169882	0.873144
TIMM10	67.9197	113.948	0.746472	0.00509212
RAE1	32.6078	37.5238	0.202588	0.866932
TRAPPC4	59.2522	77.9316	0.395339	0.200886
JPH1	3.27417	4.51312	0.462994	0.182316
MSH2	8.60929	7.96698	-0.111862	0.91547
TLN2	1.20196	0.978281	-0.297065	0.576223
LOC728752	1.38438	1.10656	-0.323156	0.815706
PEX14	26.17	23.7906	-0.137519	0.879372
RABGEF1	5.1767	4.50498	-0.200511	0.870466
KIF21A	0.893296	0.742774	-0.266215	0.713567
C4orf32	4.93836	5.08605	0.042512	0.98439
MCM5	43.0135	42.783	-0.00775013	0.997036
ERCC1	255.551	196.006	-0.382712	0.305504
KPNB1	43.1601	45.5249	0.0769575	0.95534
IL6R	2.33396	2.97669	0.350929	0.457353
ZNF704	0.334013	0.203518	-0.714745	1
HELLS	4.31947	5.84457	0.436245	0.205908
NDUFA9	62.0209	60.0071	-0.0476206	0.978981
AP4E1	1.44826	1.45975	0.0114048	0.996079
KIAA1467	1.94104	1.56724	-0.308606	0.590127
DAXX	37.8462	50.584	0.41853	0.155313
PRPS1	28.5374	42.1389	0.562297	0.0270114
KLF10	13.551	12.1553	-0.156816	0.835511
SLC39A5	0.0452385	0.0276211	-0.711781	1
TTC5	10.6994	9.92199	-0.108832	0.931471
LOC100507424	0.716015	0.705389	-0.0215715	0.998514
HSD17B12	31.9438	21.9035	-0.544371	0.0423316
MASTL	7.02122	5.14364	-0.448933	0.177737
ACD	46.4769	49.9047	0.102662	0.925129
SCAF4	10.1674	10.2291	0.00872344	0.997036
DIAPH1	13.2392	18.4938	0.48227	0.0862993
POLR2F	39.2703	66.5161	0.760262	0.00134142
TOR1AIP1	16.8471	13.9248	-0.274841	0.501695
ETFDH	3.5585	3.18847	-0.158401	0.887208
DHCR7	45.474	88.6856	0.963658	0.00134142
AP1B1	27.5678	29.7005	0.107501	0.917379
ARID3B	4.31232	3.08038	-0.485355	0.181132
GRIN2D	22.7084	20.5308	-0.145439	0.857265
GCA	2.96112	1.42135	-1.05888	0.00134142
PHB	187.968	264.218	0.491246	0.0844105
TIMELESS	7.43261	5.87826	-0.338478	0.358376
METTL3	14.1584	25.2304	0.833503	0.0675751

HRSP12	54.1751	44.5435	-0.282415	0.480501
DGKZ	28.5556	42.1907	0.563151	0.0349222
SLC4A2	73.8677	118.549	0.682465	0.00818401
AMOTL2	23.2014	7.01096	-1.72653	0.00134142
ITPK1-AS1	0.0163013	0.0281038	0.785776	1
LMNB1	12.4291	22.1783	0.835435	0.00134142
DNAJA1	97.6915	274.939	1.49281	0.00134142
ALG1	5.85237	7.5659	0.37049	0.615252
TNFRSF12A	632.263	449.064	-0.493605	0.0775297
CCND3	36.1674	70.7021	0.967063	0.00134142
DHODH	7.70284	7.39444	-0.0589497	0.977103
SECTM1	7.32098	11.099	0.600327	0.0713011
STAG3	0.216677	0.272609	0.331288	1
TSFM	27.3116	31.6298	0.21177	0.685156
CLUH	35.31	66.3526	0.910076	0.00134142
TDG	4.4222	4.64369	0.0705095	0.966946
NAA15	8.31377	14.7524	0.827379	0.0314167
CMTM7	91.2091	112.477	0.302382	0.425831
PDCL	4.92371	4.73567	-0.0561753	0.977332
NSF	6.73274	7.96732	0.242901	0.611615
TMEM178B	0.00363061	0	#NAME?	1
SNRPG	305.273	381.773	0.322614	0.381083
ZNF568	0.0730487	0.0143996	-2.34283	1
EPS8L1	9.42507	9.12854	-0.0461191	0.984772
PGAM5	48.3262	95.2723	0.979251	0.00134142
VRK1	14.2206	16.7905	0.239661	0.6442
PCDHB13	2.19447	1.46041	-0.587506	0.161633
EPHB2	9.27417	9.21804	-0.00875789	0.997036
EXOSC9	20.5505	21.6288	0.0737779	0.979733
ARMC5	7.73419	10.6377	0.459862	0.19939
ICAM2	9.57064	8.04515	-0.250497	0.753531
TRIM25	22.2345	11.1584	-0.994662	0.00134142
GATAD2A	19.5257	27.326	0.484898	0.0917667
NAGPA	10.0295	15.6322	0.640273	0.030165
EFR3B	0.193518	0.165246	-0.227856	1
ZNF815P	0.75483	0.662978	-0.187191	0.917687
TRIP13	9.05146	13.5805	0.585313	0.0357572
GALNT1	5.6261	7.16776	0.349387	0.340882
PGM2	9.06002	8.13352	-0.155635	0.842998
LIAS	9.02153	5.42755	-0.73307	0.0132924
TYW1	4.54926	5.18404	0.188446	0.797849
SCAND3	0.556879	0.460101	-0.275412	0.779421
PHLPP1	3.30076	2.19196	-0.590577	0.0601893
TM4SF1	68.3046	97.0376	0.506561	0.0775297
FBXL14	2.17771	2.16254	-0.0100886	0.997036
ZBTB37	0.208907	0.107817	-0.954278	1
ARID3A	5.89737	2.92806	-1.01012	0.00134142
EOGT	4.9165	4.51912	-0.121587	0.908769
CLEC16A	2.73083	3.77044	0.465393	0.161828
DHX9	32.539	48.8621	0.586548	0.0297125
IFFO1	0.0775197	0.139863	0.851381	1
PCMT1	64.4018	62.8104	-0.0360959	0.986175
SUPT16H	29.9096	28.4	-0.0747189	0.956807
DUS2L	12.6954	13.8267	0.123158	0.95631
PNPT1	9.28868	13.1579	0.50238	0.0658487
FOXRED2	11.1579	8.39577	-0.410328	0.194686
UQCC	21.1401	21.6595	0.0350181	0.986529
PIGO	11.783	7.58301	-0.635861	0.0270114
TAF6L	12.6193	13.0822	0.0519745	0.979701
AMDHD2	25.81	14.6376	-0.818255	0.162979
LOC100132781	0.0227973	0.0271098	0.249953	1
NFYC	19.8001	16.0193	-0.305698	0.480683
FAM91A1	11.6908	12.4369	0.0892522	0.942827
PSMA4	117.269	146.018	0.316327	0.400128
LOC400684	1.69054	0.784314	-1.10798	0.159615
GGH	56.2054	54.1335	-0.0541861	0.974044
LDLR	16.5764	23.6539	0.512945	0.061906
KCTD3	5.36659	6.51892	0.280626	0.545588
CCDC28A	20.909	7.65552	-1.44955	0.00134142
PHF12	4.5677	5.60607	0.295521	0.531475
GPATCH3	9.68711	10.7816	0.154427	0.867828
PPAPDC1B	38.4006	32.2747	-0.250724	0.721145
DAZAP1	118.935	101.983	-0.221837	0.664776
SNRNP70	140.609	219.553	0.642881	0.0145499
CD101	0.46842	0.569986	0.283124	0.803587
REXO2	91.9963	87.5827	-0.0709302	0.958814
DCLRE1A	3.01823	2.08466	-0.533891	0.114012
C19orf81	1.71349	1.25952	-0.444066	0.799188
MAT2B	22.8889	19.2376	-0.250724	0.585568

RHEBL1	12.5277	18.1903	0.538048	0.105061
ERP29	120.724	90.9027	-0.409323	0.173163
PTGES2	187.397	245.528	0.389789	0.242372
C11orf30	0.834705	0.837007	0.00397332	0.998514
NABP2	61.4849	49.6962	-0.307097	0.416586
TBCCD1	1.91902	3.03027	0.659074	0.0739785
ARG2	25.1574	17.7706	-0.501487	0.498538
HCG4B	0.179569	0.173845	-0.0467379	1
PDIA3P	1.54889	1.32105	-0.229553	0.845182
IER5	28.2438	23.9192	-0.239768	0.648914
ATE1	1.44186	1.22282	-0.237725	0.832174
RPIA	21.159	38.2175	0.852964	0.00134142
CCDC157	0.566576	0.584193	0.0441752	0.995589
YIF1B	26.2171	18.5902	-0.495961	0.536279
RYR2	0.207295	0.111077	-0.900134	1
C14orf23	0.0160391	0.0132071	-0.280273	1
RAB35	24.7322	37.5848	0.60376	0.0167292
IGSF3	1.83987	1.79604	-0.0347814	0.988104
UBE2N	43.273	67.1469	0.633852	0.0132924
MPC1	22.206	26.0079	0.228	0.713671
FGF11	1.88277	1.96036	0.0582617	0.982348
PIGU	20.7715	17.5447	-0.243567	0.631812
PSMC3	88.0206	112.544	0.354578	0.290705
PIM3	52.1248	50.2765	-0.0520867	0.976756
HIST1H4B	1.16388	1.02058	-0.189553	0.977103
ABRACL	109.688	104.063	-0.0759469	0.956382
HIATL1	20.8947	23.2553	0.154423	0.829054
UST	3.06059	2.55732	-0.259173	0.657573
SLC25A13	6.29291	8.56269	0.444336	0.170338
ROBO3	3.47995	1.03613	-1.74786	0.00134142
LOC440288	2.92132	1.40441	-1.05666	0.0261279
LEPREL4	25.3347	31.2114	0.300957	0.44885
DRAM1	7.50941	6.35247	-0.241383	0.653383
TMEM120B	7.28847	11.4872	0.656335	0.406031
LOC100009676	2.53969	2.382	-0.0924802	0.980556
IDI1	20.7516	30.5436	0.557648	0.0897447
OCIAD1	45.8849	25.5719	-0.843462	0.00134142
PIGN	3.60529	2.10442	-0.776692	0.009453
UBE2T	54.5569	63.5332	0.219749	0.664149
TRIM14	13.0421	17.7377	0.443643	0.620336
SPCS2	32.6339	34.6368	0.0859363	0.945946
RASGRP3	0.0568001	0.0287434	-0.982664	1
SLX1B,SULT1A4	0.669698	0.461678	-0.536624	0.776313
EIF2S2	101.428	84.3069	-0.266726	0.558145
LOC100335030	0.324237	0.288524	-0.168354	1
MFSD11	4.13033	4.06187	-0.0241111	0.99714
MB21D2	2.01253	1.95828	-0.0394264	0.987693
PIK3CA	1.30322	0.995654	-0.388365	0.482736
GPRASP1	0.0788478	0.0556521	-0.502636	1
APOE	0.886652	1.36003	0.617199	0.619929
PLAU	36.7845	41.0368	0.15782	0.823658
TRIM44	5.78044	5.78579	0.00133574	0.99926
LYSMD2	11.3162	18.6822	0.723271	0.00672555
WVOX	6.77174	6.14567	-0.139956	0.960071
PLRG1	14.3139	10.4197	-0.458101	0.11492
SUPT20H	11.9972	8.98155	-0.417667	0.612792
FAM32A	51.7933	60.9085	0.233878	0.624874
VIMP	49.6383	56.4046	0.184359	0.754842
PHTF2	3.13722	2.89373	-0.116557	0.926446
SUGT1	32.5708	32.5378	-0.00146328	0.998921
C19orf44	2.03669	2.72331	0.419137	0.887791
EXOC6B	0.41031	0.409365	-0.00332644	0.998951
AHSA1	172.196	307.871	0.838277	0.00134142
GLTPD2	0.23519	0.547901	1.22009	0.582397
TMEM185B	13.3874	16.6732	0.31666	0.370833
HARS	46.6396	63.763	0.451164	0.187625
ACSF3	5.63563	4.89436	-0.203456	0.797744
EFCAB6	0.0229909	0.0112649	-1.02923	1
ANK2	0.427895	0.131593	-1.70117	0.00134142
EPT1	3.83183	5.60371	0.54835	0.0322484
RAMP1	52.84	52.2831	-0.0152858	0.994615
MINPP1	8.04793	8.96719	0.156039	0.863051
TMEM253	0.347845	0.322061	-0.111112	0.995221
SEC23A	4.48272	3.52716	-0.345866	0.393496
MTDH	32.1734	36.8492	0.195761	0.738724
CATSPER3	0.698418	0.60068	-0.217493	0.930157
CNOT10	14.9092	11.1914	-0.413801	0.181833
H2AFX	237.593	531.586	1.16181	0.00134142
SHFM1	488.094	542.667	0.152906	0.841583

CDKN2A	2.25108	1.91831	-0.230778	0.89937
EGFL7	226.399	197.2	-0.199206	0.721071
DUXA	0.0108777	0.019052	0.808571	1
SLC35F2	25.2388	29.28	0.214272	0.674962
LETM1	17.5578	32.0533	0.868359	0.00134142
ANKRD11	15.1815	17.1659	0.177232	0.880739
DNAJB11	28.8122	48.0722	0.738521	0.00243047
ZNF70	0.68504	0.697754	0.0265303	0.99351
PFN1	1520.85	1804.4	0.246636	0.633206
KLRAP1	0.207447	0.189651	-0.12939	1
ACRV1	0.130078	0.173743	0.417575	1
RNF13	6.90458	4.02874	-0.777225	0.00882987
LIN52	1.17967	1.31552	0.157244	0.935939
ATAD3B	42.6434	119.56	1.48735	0.00134142
AGPAT5	10.6823	11.9213	0.158312	0.819681
GPR3	7.31619	11.1864	0.612586	0.0515434
TNFSF9	23.3227	22.1289	-0.0758016	0.96128
PSMB1	263.099	257.741	-0.0296885	0.987693
LPIN1	9.11747	7.45	-0.291393	0.475774
USMG5	421.856	496.362	0.234645	0.683364
BTN2A1	6.24103	6.16128	-0.0185543	0.99351
SPINT1	61.6965	63.321	0.0374957	0.984917
CD81	385.877	443.466	0.200683	0.721145
STPG1	5.99875	2.38718	-1.32935	0.00134142
CPT1A	10.3234	8.00456	-0.36702	0.275535
KREMEN2	22.5171	36.3321	0.690223	0.0162707
GALNT18	39.194	27.7804	-0.496566	0.0761023
PDCD5	200.834	267.91	0.415745	0.173927
GLB1L	0.68173	0.395939	-0.783921	0.204595
CENPQ	6.39142	4.38591	-0.543261	0.114315
NDUFA12	117.821	119.2	0.0167889	0.99351
PRMT1	333.361	493.663	0.566442	0.0318033
ORC3	10.1913	5.56808	-0.872085	0.00134142
RBM15	5.57749	4.78821	-0.22013	0.742477
QSOX1	60.3524	57.4507	-0.0710868	0.965148
HMGN5	2.83298	2.3209	-0.287639	0.917325
CCNE2	3.94848	5.80781	0.556699	0.649424
PDHA1	33.838	31.5847	-0.0994181	0.930157
MEGF9	1.34226	1.14496	-0.229364	0.755776
SRP54	11.1455	10.5406	-0.0805	0.95534
OVOL1	0.0269313	0.0041549	-2.6964	1
NARS	47.2087	38.9161	-0.278684	0.509535
LEO1	8.42366	10.0172	0.249953	0.630542
SAT1	123.71	94.1666	-0.393679	0.211132
LAMP1	80.7017	94.2715	0.224223	0.658361
MIS12	11.6053	9.25533	-0.32643	0.415077
TUBE1	8.88099	3.66379	-1.27738	0.00134142
EFCAB11	12.5189	7.3177	-0.774649	0.036526
CEP112	1.71361	0.61973	-1.46733	0.00134142
MDFI	33.7695	44.5891	0.400971	0.21876
EIF3A	29.6052	38.1317	0.365137	0.260275
PRKCQ	1.62483	1.13325	-0.519824	0.258219
MSTN	0.0119901	0	#NAME?	1
BMPR1A	3.38057	2.9693	-0.187142	0.826046
TOP1	22.3818	24.9354	0.155872	0.830321
CELSR1	0.0589364	0.103485	0.812191	1
PIGF	24.0332	17.9361	-0.422166	0.72508
NLRP11	0.363308	0.252798	-0.523206	0.52606
DANCR	120.69	163.471	0.437721	0.130354
CD276	29.7371	33.2219	0.159872	0.819258
C21orf59	43.0251	49.3743	0.198581	0.724741
ARV1	7.93759	7.28988	-0.122805	0.923433
MAGI1	0.934209	0.293419	-1.67078	0.00134142
HSP90B2P	0.0363999	0.02791	-0.383155	1
HSPD1	461.827	524.844	0.184535	0.850795
PSME3	36.995	66.3432	0.842618	0.00134142
CLN3	30.7518	33.9834	0.144159	0.862722
XXYLT1	3.41687	6.53675	0.935896	0.00134142
SNRNP25	33.1156	66.3052	1.00161	0.00134142
USP14	13.0562	16.1672	0.308335	0.397773
ZNRF2	1.47129	1.00274	-0.553141	0.284624
ORC5	22.429	23.3531	0.058249	0.968521
PHF14	4.35159	4.94933	0.18569	0.813829
PSPH	17.6017	7.20253	-1.28914	0.00134142
AKT1S1	57.951	64.453	0.153415	0.833863
SFT2D1	124.024	110.024	-0.172798	0.790283
TBK1	7.53698	6.83933	-0.140131	0.870541
TEFM	9.7295	10.7705	0.146644	0.885624
DRG2	29.4564	29.6672	0.0102843	0.996453

PNP	81.232	140.663	0.792122	0.00134142
UCP3	0.188881	0.444756	1.23554	0.0841079
TTC28	0.494169	0.198681	-1.31455	0.151522
QDPR	38.9075	42.1453	0.115322	0.908129
LEMD3	3.89246	3.56597	-0.126386	0.907657
PLAA	9.09538	7.16419	-0.344329	0.367283
C16orf80	46.2499	44.7503	-0.0475538	0.979701
NFE2L1	27.4232	23.4071	-0.228453	0.637571
SEC61A1	98.0395	127.989	0.384589	0.24551
HYOU1	26.4124	36.7836	0.47785	0.0882057
ABCC6	1.21953	0.653627	-0.899784	0.365183
DCUN1D5	5.04799	4.956	-0.0265312	0.989748
MAP2K3	60.092	93.9448	0.64464	0.009453
GOLM1	57.1544	65.1252	0.188351	0.755364
CHSY1	4.09769	5.47016	0.416772	0.234793
DLD	28.7111	25.3307	-0.180723	0.768789
DNAJC22	5.21895	3.01669	-0.790793	0.0349222
TMEM48	7.63187	8.61859	0.175415	0.793112
CTPS1	22.9267	38.5751	0.75064	0.00134142
EDF1	990.137	994.444	0.00626256	0.997036
BAAT	0.133095	0.151805	0.189765	1
RGL1	0.363288	0.344891	-0.0749753	0.979701
GINS1	8.97694	10.7144	0.255251	0.592589
LOC100127983	0.153964	0.0828303	-0.89436	1
PROSER1	7.24305	7.36474	0.0240354	0.990857
C19orf47	10.279	15.9461	0.633498	0.486673
MOSPD1	3.80577	3.48577	-0.126709	0.925094
MRPL28	132.45	139.01	0.0697438	0.961224
P2RY2	0.704554	1.94915	1.46806	0.00134142
CRELD2	14.3957	33.6981	1.22703	0.00134142
ARSB	0.814427	1.72866	1.0858	0.0114515
RGS19	26.9011	26.5982	-0.0163337	0.994615
TIMMDC1	38.5398	30.4351	-0.340614	0.33121
DBNL	45.0573	49.0689	0.123049	0.897072
LOC643406	0.126051	0.140254	0.154042	1
SLAMF7	0.236867	0.118694	-0.99683	1
NOC2L	81.5313	105.693	0.374457	0.250467
SERINC5	1.87248	1.832	-0.0315347	0.989365
CYP26B1	1.21553	1.06312	-0.193277	0.876927
NUP43	11.2683	9.2252	-0.288622	0.469503
HAX1	82.6219	52.4485	-0.655624	0.0150729
FAM174A	8.56734	6.24813	-0.455423	0.282566
POLRMT	44.7341	58.1788	0.379121	0.22859
MCCC2	24.3017	22.929	-0.0838879	0.946274
NIPA2	22.3822	33.7716	0.593459	0.0250278
BTBD18	0.0170836	0.0513307	1.58721	1
FANCI	7.99259	5.81484	-0.458923	0.605597
MYEOV	9.00942	10.9436	0.280585	0.590923
PSMC6	33.6453	34.2943	0.0275646	0.989514
BCL10	33.0908	15.6366	-1.0815	0.00134142
ABHD2	3.06554	2.45012	-0.323287	0.426734
CCT2	205.201	294.111	0.519326	0.0637115
DDI2,RSC1A1	2.5547	2.87042	0.168109	0.882497
MAN1C1	0.122499	0.0593448	-1.04557	1
NUP107	16.9146	14.9938	-0.173907	0.788214
NR4A1	15.1333	7.59633	-0.994355	0.00134142
PSME2	119.63	168.204	0.491634	0.0841079
LOC100507462	0.118479	0.0314752	-1.91234	1
TMEM33	9.06848	13.3379	0.556596	0.0336095
SGMS1	2.97039	2.47522	-0.263095	0.662283
TMBIM6	323.004	267.187	-0.273701	0.532823
ALDH2	70.024	52.8913	-0.404819	0.172529
MITF	0.550517	0.434851	-0.340268	0.671358
WIZ	18.6754	19.2662	0.0449332	0.979733
PET100	185.196	196.341	0.084307	0.952905
C2CD2	26.2615	27.095	0.0450746	0.979733
TMEM205	116.675	109.305	-0.0941305	0.935939
NUDT9P1	0.309433	0.0957528	-1.69224	1
UNC50	31.0582	30.1253	-0.043997	0.979733
EIF2S1	22.0138	26.1598	0.248945	0.577456
KDM1B	1.99215	1.37611	-0.533732	0.168676
ZNF595,ZNF718	0.534608	0.462435	-0.209233	0.909489
PTPRE	1.04194	0.878956	-0.245408	0.771991
H2AFY	81.3222	87.866	0.111656	0.913825
TPP2	9.86984	9.58676	-0.0419836	0.980177
RRM1	32.3832	22.9251	-0.498321	0.0780546
CHPF	58.939	80.2327	0.444967	0.116242
LATS2	4.62535	2.92221	-0.662504	0.0178668
LINC00623,LOC728875	1.08055	1.08361	0.00406741	0.99862

TMEM206	12.2422	14.8452	0.27813	0.548564
PTPLAD1	34.9309	45.8455	0.392277	0.210564
SLC25A46	6.62778	6.33661	-0.0648152	0.972339
MIR4461	3654	3974.66	0.121355	0.99351
PPAP2C	95.1425	82.7391	-0.20152	0.714446
SERPINB9	13.6702	19.7062	0.527611	0.0504457
GART	34.5964	28.0281	-0.303747	0.456016
TUFM	361.663	333.422	-0.117299	0.906464
TMEM242	4.08405	3.66655	-0.155576	0.851892
AFAP1	1.22558	1.48438	0.276394	0.660278
GPANK1	20.8549	18.4769	-0.174666	0.964792
SNRPA	149.815	64.8412	-1.2082	0.00134142
EMC2	36.3205	24.5132	-0.567228	0.0345327
CCDC137	29.9188	56.8518	0.926152	0.00134142
LRRRC16A	1.91359	1.33703	-0.517253	0.157777
BIK	5.60805	8.61873	0.619976	0.167979
CLIC4	25.8845	17.4891	-0.565634	0.0357572
CABP1	1.423	2.48505	0.80434	0.141232
ARPC4,ARPC4-TTLL3,TTLL	139.291	169.187	0.280521	0.654699
MRPL39	53.6832	42.489	-0.337382	0.325204
DMBX1	1.90003	0.894721	-1.08651	0.0126858
PLXNA2	0.497808	0.617221	0.310198	0.654699
TNFSF4	0.047077	0.026348	-0.83733	1
TMEM165	52.0996	45.6066	-0.192032	0.731968
SHQ1	4.95043	8.65133	0.805368	0.00243047
NUDT1	60.4458	58.9155	-0.0369953	0.986353
C15orf41	2.37471	1.41126	-0.750772	0.0410573
MRPL4	176.336	256.819	0.542421	0.0431891
HTATSF1	7.89233	12.0144	0.606238	0.0261279
RBM14,RBM14-RBM4,RBM	109.04	124.779	0.194526	0.8561
VTI1A	4.76466	4.57472	-0.0586884	0.974922
NR1I3	1.81838	2.48213	0.448927	0.921164
XRCC3	14.0445	20.1663	0.521943	0.387393
CYB5A	13.1958	13.6286	0.0465613	0.98439
ITGA6	2.65603	3.11758	0.231152	0.695538
GTF2H3	9.00687	6.6077	-0.446878	0.52044
LOC100131691	0.332715	0.15885	-1.06663	1
KLC2	37.4075	60.1763	0.685868	0.00509212
CPEB4	0.63999	0.37864	-0.757221	0.0580464
CDS1	2.21697	2.01948	-0.134608	0.913628
AP5M1	5.07205	5.13395	0.0175007	0.996453
CENPW	79.3763	99.399	0.324523	0.401233
NCL	284.593	453.311	0.671601	0.0132924
RUVBL1	50.401	54.9509	0.124692	0.888975
BTBD11	0.421113	0.313339	-0.426483	0.649554
CCZ1	10.9574	11.0478	0.0118502	0.995957
RTN4	175.075	162.841	-0.104513	0.924009
WIPI1	11.088	4.33361	-1.35535	0.00134142
ACP2	10.4713	8.35112	-0.326404	0.54069
ASB16	0.2062	0.256372	0.314199	1
DAPK1	3.00547	2.65959	-0.176384	0.832286
SLC45A3	7.21776	9.50494	0.397125	0.274388
G6PC3	74.6936	63.2803	-0.239228	0.610406
CNPY2,PAN2	118.095	137.596	0.220498	0.688434
NOP16	106.716	228.477	1.09827	0.00134142
GBP4	0.008281	0.0084753	0.0334601	1
CCDC127	14.2601	14.8901	0.0623746	0.974335
C8orf47	8.0855	10.3433	0.355285	0.606953
SPNS1	33.9693	38.9611	0.197804	0.737171
ZNF462	1.12523	0.610019	-0.883293	0.009453
SSTR2	0.018352	0.0171128	-0.100856	1
KATNB1	41.7108	37.8408	-0.140479	0.855981
PPARGC1B	0.516262	0.847529	0.715161	0.0467709
BCL11A	0.913232	0.681188	-0.422929	0.582968
IQCK	2.73659	1.91009	-0.518738	0.646377
FLJ42875	6.41105	5.18154	-0.307179	0.825928
E2F1	20.7475	25.8799	0.318894	0.385575
PSMB7	298.823	297.7	-0.00543231	0.99714
CDC37	285.173	343.943	0.270328	0.713826
NDUFAF1	15.5085	15.237	-0.0254867	0.990857
NAV3	6.27666	4.6514	-0.432331	0.158777
NOL12	7.74512	14.3586	0.890555	0.00134142
LTBP2	0.701536	0.447622	-0.648237	0.14313
SIPA1L1	5.95836	3.77673	-0.657777	0.0150729
CYB561	15.1871	25.1399	0.727131	0.00243047
FAM98A	12.2623	27.2912	1.1542	0.00134142
SERPINH1	130.86	259.444	0.9874	0.00134142
TMEM39A	5.09509	3.82554	-0.413445	0.211458
WDR61	27.2114	31.7635	0.223157	0.672931

AMN1	1.22738	0.572993	-1.09899	0.0200038
GPT2	26.64	16.5148	-0.689835	0.009453
FRA10AC1	6.30733	3.29225	-0.937955	0.00134142
LIG1	22.2145	21.3929	-0.0543654	0.976595
PRAME	17.4185	29.8899	0.779034	0.00134142
MCM6	19.6971	22.274	0.177375	0.776313
U2AF1	221.965	275.944	0.314045	0.397705
PYCR1	236.935	204.303	-0.213785	0.696279
NUP160	6.91978	6.33421	-0.127561	0.888528
RRM2	51.2778	61.6671	0.266167	0.541507
LOC731223	0.478109	0.287691	-0.732819	0.85843
MYPN	0.00776858	0.0016029	-2.27697	1
LUC7L3	21.9157	41.7512	0.929852	0.00134142
MRPL13	119.91	109.05	-0.136966	0.876196
CHRNA7	1.70555	1.1547	-0.56272	0.240188
STIM2	1.16855	1.88929	0.693121	0.0403066
NOC4L	36.2949	62.9109	0.793542	0.00134142
USP18	4.29415	2.89453	-0.569044	0.161153
CBX4	28.9724	16.6447	-0.799617	0.00134142
OSGEP	32.6589	27.465	-0.249883	0.589808
ZNF394	16.2106	17.241	0.0889049	0.946274
C7orf50	109.116	117.617	0.108235	0.923433
DMRT2	2.84701	3.04979	0.0992665	0.959465
SLC39A14	28.1441	35.1858	0.322162	0.37325
STK40	16.8591	14.9729	-0.171172	0.809695
TMEM87B	3.5889	1.85315	-0.953563	0.00134142
LOC90784	3.62226	5.40031	0.576152	0.0652056
ACSL3	13.0939	11.3443	-0.206929	0.714291
MCM2	41.6888	37.3481	-0.158626	0.821622
TMEM63A	6.22029	5.33307	-0.222015	0.836602
MAP2	0.10081	0.0343371	-1.5538	1
FOXO4	1.74519	1.23334	-0.500817	0.314308
SYMPK	20.6281	17.2897	-0.254696	0.566856
SRSF10	29.3311	35.7414	0.285167	0.485911
RFC2	39.7511	32.8047	-0.277093	0.499123
NGDN	25.424	32.8811	0.371065	0.285008
KCNAB1	1.336	2.00015	0.582191	0.12797
ATF5	42.2427	41.7759	-0.0160306	0.997036
RAPGEF3	0.581178	0.212887	-1.44889	0.00509212
MRPS28	48.9215	67.0683	0.455163	0.12699
LDLRAD3	3.09873	2.42214	-0.355391	0.518295
TSPAN15	8.7236	6.81292	-0.35665	0.464668
TTC26	2.23435	1.74266	-0.358566	0.582397
WTIP	1.71168	1.62694	-0.0732475	0.981485
CLCN7	46.814	42.2037	-0.14957	0.840803
C5orf56	0.755734	0.783002	0.0511383	0.99351
CMSS1	40.9996	38.5556	-0.0886698	0.950929
PARP2	15.4321	12.5594	-0.297164	0.478347
UBE2V2	24.8856	21.4317	-0.215567	0.688363
ODC1	214.384	282.098	0.395993	0.234285
PRKCQ-AS1	3.17963	2.34795	-0.437458	0.354126
TRA2B	31.9366	34.8306	0.125146	0.887588
TMEM92	0.133453	0.0202419	-2.72091	1
LEPROTL1	11.7867	14.2516	0.273957	0.873144
PTDSS1	110.95	172.169	0.63392	0.0145499
ARHGAP42	0.343085	0.233783	-0.553395	1
ATP6V0D1	71.8568	106.148	0.562876	0.0322484
HIST1H2BG	3.42341	4.41876	0.368206	0.797015
TBC1D7	6.88507	6.94657	0.0128296	0.996453
LOC283663	0.19908	0.245199	0.300605	1
UBR1	1.51775	1.20263	-0.335746	0.459984
OSTM1	3.4756	2.79565	-0.314077	0.509535
PCCA	1.46044	0.968234	-0.592973	0.516248
SPTB	0.766653	0.285407	-1.42556	0.00134142
SRSF2	100.207	263.138	1.39284	0.00134142
ANP32B	222.362	241.893	0.12146	0.902188
FITM1	1.24908	1.12108	-0.155974	0.965148
CBLB	0.617631	0.388937	-0.66721	0.208364
RQCD1	20.7532	29.2292	0.494076	0.0786602
TRA2A	36.7863	37.4197	0.0246282	0.99037
NUPR1	2.29669	0.214118	-3.42308	0.009453
GTF3C5	113.096	101.453	-0.156748	0.828589
FOXN3-AS1	2.11668	1.16427	-0.862376	0.750955
SSUH2	0.12348	0.0917581	-0.428372	1
TFB2M	17.6624	25.5999	0.53546	0.0559179
DDX52	5.3336	5.04691	-0.0797106	0.955758
CHD4	19.3544	20.5138	0.0839346	0.947008
MED27	60.7639	61.4317	0.0157683	0.99351
SPATA13	1.76854	2.72441	0.623389	0.0410573

LOC257358	0.0277452	0.0116371	-1.25351	1
SLC35B1	54.549	67.0856	0.298451	0.434948
IQCE	1.07891	1.89482	0.812488	0.0139368
MPHOSPH6	23.5911	30.0609	0.349644	0.314771
EIF2B3	7.56742	11.2719	0.574853	0.0562227
FAM53C	18.9761	14.1709	-0.421245	0.166117
GGCT	37.3097	40.8224	0.12981	0.895818
GDPGP1	0.826369	0.983299	0.250845	0.909694
CMC2	60.4195	85.4037	0.499285	0.468776
SNRPC	134.628	160.934	0.257495	0.551356
SLC44A2	21.9637	6.75134	-1.70188	0.00134142
BCCIP	62.0269	101.154	0.705583	0.0235476
FAM208B	2.94036	7.48948	1.34887	0.00134142
CLN5	6.56736	5.12068	-0.358977	0.366794
MESDC2	9.37589	12.4917	0.413947	0.172529
PPP2R1B	7.52551	7.25766	-0.0522846	0.980177
TP53I3	16.4154	16.0414	-0.0332522	0.987858
MRPL46	28.3356	32.6589	0.204861	0.739609
AGER	1.94118	1.78937	-0.11748	0.958201
S100A11	946.663	1325.13	0.485211	0.0908564
FUBP1	22.5385	23.8277	0.0802438	0.950929
MANSC1	4.57883	2.29215	-0.998277	0.00243047
LRRTM2	0.0083568	0.00577702	-0.532624	1
ZDHHC24	39.7248	32.5522	-0.287287	0.543643
RAET1G	0.619933	0.561413	-0.143049	0.990857
RPAP3	5.45584	5.7924	0.0863611	0.950929
GOLT1B	10.5966	10.5676	-0.00396607	0.997342
SUMO1	76.8031	65.5524	-0.228515	0.648312
VSTM2L	0.0579356	0.13495	1.2199	1
UBR7	11.0472	10.8151	-0.0306426	0.988657
NUP93	24.2396	32.8979	0.440627	0.128787
UXS1	11.1482	16.0973	0.530008	0.0668932
SIPA1L2	0.398099	0.415009	0.0600166	0.984917
LOC348761	0.0187129	0.018478	-0.0182267	1
MFSD1	14.669	15.3408	0.0645958	0.966946
GPR126	3.31508	2.67412	-0.309979	0.464668
PLEKHA8	2.59917	1.8597	-0.482985	0.369736
SAAL1	23.5928	22.373	-0.0765892	0.956382
IFIT3	0.363822	0.722857	0.99048	0.0611798
C1D	23.5409	19.4424	-0.275968	0.529261
LOC100131257	0.00522649	0.0029196	-0.84007	1
BAZ1A	4.74231	7.18464	0.599326	0.0222212
ADORA1	2.72923	3.56978	0.387344	0.484559
CNNM4	3.98638	3.367	-0.243616	0.691366
XPOT	19.9313	12.9942	-0.61717	0.0200038
BNIP2	13.4965	9.97956	-0.435539	0.155896
DGKI	2.0897	0.57936	-1.85076	0.00134142
DDX27	13.9239	16.702	0.262459	0.563034
PDZD8	2.07093	2.3194	0.163478	0.878389
ANKRD42	0.378122	0.547232	0.533299	0.481568
BCL7B	51.7323	53.5441	0.049662	0.977332
C1QBP	367.029	464.226	0.338933	0.460263
SNORA23	6.9254	2.7386	-1.33846	0.909768
GCSPH3	2.42661	2.15992	-0.167964	0.926258
FKBP3	41.1291	36.5933	-0.16858	0.863458
HMGB1	91.2909	104.107	0.189518	0.765568
B3GNTL1	5.88645	4.40219	-0.419177	0.471747
PTGFRN	9.46698	8.94743	-0.0814318	0.950929
STK31	0.0531545	0.063709	0.261306	1
NCEH1	2.29235	2.21389	-0.0502437	0.981044
SNORD22	46.8685	72.4869	0.6291	0.967901
PNN	18.9043	29.3577	0.635024	0.0120701
SNX11	10.5992	10.8637	0.0355527	0.987334
SSSCA1	80.3667	118.13	0.555712	0.0507992
DDX11	14.1399	15.7844	0.158724	0.831797
PCSK5	1.97857	0.97542	-1.02036	0.00882987
XRCC2	1.11637	1.15205	0.0453902	0.987627
CLDN6	0.150096	0.13525	-0.150257	1
TCTEX1D2,TM4SF19	94.1989	41.8155	-1.17167	0.00134142
DISP2	0.85915	0.824903	-0.0586846	0.984917
CDK5RAP1	19.8192	18.0964	-0.131198	0.882523
PRNP	34.9375	31.6881	-0.140839	0.860362
C5orf34	2.83297	1.63072	-0.796804	0.030165
SMIM13	3.2263	3.06291	-0.0749797	0.965148
CEP104	3.6483	3.68822	0.0157001	0.99451
TMEM164	2.60649	2.89052	0.149222	0.886707
UTP11L	23.3817	34.9471	0.579793	0.0270114
AGPAT1	41.5174	35.8313	-0.212499	0.836371
PMPCA	139.386	200.364	0.523535	0.0511722

LOC100287314	6.01113	2.99839	-1.00345	0.00425224
SAMHD1	1.24076	2.73963	1.14276	0.00134142
TRMU	22.1478	39.8225	0.846422	0.00134142
DNAJB9	12.2176	7.39687	-0.723977	0.00509212
GLT25D1	64.6817	81.2771	0.329493	0.354217
NOP10	571.457	649.235	0.184098	0.769283
ACAT2	15.332	19.7925	0.368409	0.942519
KLHL21	40.7119	40.1122	-0.0214093	0.991767
TMEM241	3.3323	3.27569	-0.0247172	0.991884
PARP9	1.99824	1.58623	-0.33313	0.785477
ADAT3.SCAMP4	44.3421	54.2337	0.290512	0.576551
TDRD5	0.427275	0.373758	-0.193058	0.925753
TNS1	0.155766	0.112861	-0.464827	1
ST7	11.758	14.1576	0.267934	0.619929
NDUFS6	156.202	226.703	0.537394	0.0467709
DDRK1	106.794	93.7393	-0.188105	0.751467
SLC5A2	0.21529	0.111545	-0.948654	1
TANGO6	3.06009	4.16792	0.445752	0.201532
MED19	6.86513	6.53041	-0.0721117	0.97028
UBAP1L	1.24575	2.38958	0.939748	0.110937
PNPLA8	2.22794	1.40365	-0.666533	0.0373672
GTF3C6	63.763	109.346	0.778109	0.00134142
SH3TC1	4.58338	3.76282	-0.284596	0.628611
PSMB2	37.6953	45.8608	0.28288	0.494889
SQLI	20.9953	37.9471	0.853927	0.00134142
TRMT6	11.6181	15.8886	0.451621	0.122378
LAMB3	78.8019	30.0642	-1.39019	0.00134142
GAR1	53.0416	84.921	0.678997	0.00134142
PIGX	4.98461	3.60649	-0.466888	0.188988
SPDYE3	0.379783	0.18225	-1.05925	0.955758
CLIP1	5.48403	4.58006	-0.259871	0.564578
NQO2	111.804	110.859	-0.0122449	0.995039
SRBD1	1.38712	0.807305	-0.780904	0.0414844
BCAR4	0.264988	0.40645	0.617151	0.786958
TMX1	21.7095	23.1466	0.0924708	0.935939
TCP1	105.568	174.858	0.728011	0.00882987
ATF6	8.96309	6.05273	-0.566409	0.0340561
LRRC59	51.5208	104.707	1.02313	0.00134142
RSPH4A	0.176857	0.257346	0.541127	1
SLC4A7	1.67729	1.48797	-0.172783	0.845125
SYNE1	0.0134302	0.00336439	-1.99707	1
SUV39H2	6.18834	9.7405	0.654443	0.0162707
GRPEL1	74.1808	109.223	0.558165	0.030994
HSPA9	192.492	158.232	-0.282759	0.505225
FAM13B	2.64696	2.14287	-0.304793	0.538041
EMC10	43.0101	58.007	0.431553	0.147239
FAM221A	6.39502	3.75017	-0.769995	0.0318033
NCKAP5L	7.47203	7.67781	0.0391943	0.985626
NSUN2	28.1807	47.6222	0.756927	0.00134142
ZCCHC4	2.62453	2.09573	-0.32461	0.571535
NPPA	0.211831	0.507497	1.26048	0.926225
CTH	16.9351	1.3578	-3.64068	0.00134142
PSMD14	91.7211	74.7025	-0.296097	0.44093
ZNF577	0.40333	0.310168	-0.378909	0.877497
HOXD8	3.20953	2.40375	-0.417076	0.464668
NOP56	92.4893	152.675	0.723106	0.00134142
OAS3	2.26881	2.20302	-0.0424489	0.984003
POLD3	2.29988	2.06889	-0.152701	0.893663
DDX1	34.0295	31.3491	-0.118363	0.898291
DNAJC7	39.1833	44.6865	0.189603	0.903126
ZNF37A	2.23803	4.13587	0.885961	0.00134142
FAM120C	3.28003	2.62164	-0.323239	0.834859
TSR1	24.5824	32.2141	0.390069	0.217771
LINC00654	0.0159749	0.00851211	-0.908218	1
NSMCE4A	22.5757	21.3883	-0.0779499	0.956296
RFT1	9.96065	8.57344	-0.216365	0.697789
ARPC5L	121.903	223.423	0.874042	0.00134142
MLF1IP	11.7748	6.38832	-0.8822	0.00134142
FAM186B	0.116209	0.0977866	-0.24901	1
SF3A3	39.9389	46.138	0.208159	0.703567
MAPRE2	3.56262	4.61994	0.374939	0.335449
IL7	0.894522	0.66419	-0.429519	0.602446
ANKS4B	0.0139873	0.00603418	-1.21289	1
NOP58	46.7663	67.2101	0.523208	0.0481547
HNRNPAB	163.963	317.025	0.951228	0.00134142
THTPA	11.5462	12.2625	0.0868424	0.98038
GLRX	612.645	246.05	-1.3161	0.00134142
TNFRSF11A	1.06533	0.636786	-0.74242	0.10104
RYR1	0.0054373	0.00405306	-0.423878	1

MRPL50	50.1189	67.9026	0.438111	0.134793
KDELC1	5.20347	5.7755	0.150473	0.976214
GPR64	0.00811864	0	#NAME?	1
SEC24D	4.17177	4.11242	-0.0206722	0.992841
LOC147646	0.0616784	0.0221478	-1.4776	1
DNASE2	50.1439	23.6762	-1.08264	0.00134142
INTS7	4.0861	4.49799	0.138558	0.953101
HEATR2	21.6092	20.1206	-0.102969	0.961
DOCK4	0.49352	0.594447	0.268439	0.743924
ZSWIM5	0.198988	0.0359987	-2.46667	1
PSMB6	287.74	320.795	0.156888	0.826046
NDUFB9	725.557	765.44	0.0772014	0.955406
TRIM41	12.5648	9.34276	-0.427473	0.190086
FBXL18	1.75938	2.25915	0.360716	0.434118
PPP5C	36.4611	45.7037	0.325953	0.354779
LRRC40	4.20239	3.07169	-0.452177	0.220369
PLCH1	0.45036	0.195293	-1.20544	0.00425224
CCDC163P	1.32325	1.00794	-0.392685	0.650855
TMEM57	6.18163	4.42976	-0.480758	0.124106
GSTCD	2.00689	1.69476	-0.243879	0.741805
SNF8	97.9872	104.051	0.0866228	0.945946
ATP6V0B	218.983	340.387	0.636354	0.0114515
MT1X	1980.76	2163.98	0.127636	0.891884
ATF7IP	2.35689	1.21745	-0.953021	0.00134142
ZC3H4	6.84187	5.92394	-0.207832	0.729849
CDC25A	7.88459	16.2544	1.04372	0.00134142
ARHGAP9	0.0953621	0.0171659	-2.47387	1
SPNS3	0.386951	0.252303	-0.616991	0.715552
PARP1	30.822	33.3617	0.114231	0.907874
ITGB3BP	19.0912	11.8922	-0.682889	0.0183825
WDR92	2.85876	2.58682	-0.144208	0.916105
CKMT1A	0.101372	0.0796481	-0.347951	1
TMEM234	6.11583	5.85791	-0.0621626	0.979701
LRRC34	1.53744	0.640995	-1.26215	0.00593755
TLR6	0.795549	0.215172	-1.88646	0.00134142
BUD31	78.4349	77.7341	-0.0129475	0.997148
PSMA3	90.1585	121.85	0.434573	0.248226
LOC100128881	22.1005	32.396	0.551732	0.546865
CCDC134	5.32104	5.67224	0.0922115	0.964222
SRSF1	23.7125	47.9634	1.01629	0.00134142
PLEKHA5	2.02584	1.0103	-1.00374	0.00509212
KGFLP1	0.172278	0.132392	-0.379929	1
GAREM	0.425905	0.414264	-0.0399801	0.990324
SMAGP	186.691	188.801	0.0162141	0.994615
KLHL29	3.64968	3.24855	-0.167975	0.849892
RRP15	1.15593	1.83585	0.667392	0.0217078
LOC100133315	0.459543	0.421889	-0.123334	0.977332
ADAM11	3.30772	2.66878	-0.309658	0.582802
HIST1H3H	2.61827	3.2423	0.308403	0.903126
MRPL16	78.5405	86.8751	0.145506	0.848326
FAM166B	0.855969	0.472916	-0.855975	0.976595
HSD17B10	132.691	157.601	0.248201	0.576888
QRICH2	1.29956	1.59387	0.294513	0.663653
CCT6A	98.9863	159.443	0.687735	0.00882987
GGN	0.995887	0.810081	-0.297917	0.883756
MCM3	35.2974	53.7016	0.605404	0.0139368
ZNF565	0.751757	0.522525	-0.524765	0.985921
RAD21L1	0.0188655	0.00390332	-2.27298	1
SNRPB	555.39	848.547	0.611494	0.0245451
CPSF3	25.1293	17.8853	-0.490597	0.0753213
REEP4	63.4335	57.6004	-0.139166	0.869078
XRCC4	7.18362	4.00272	-0.843731	0.00425224
STRAP	94.0934	123.317	0.390209	0.212399
CRMP1	2.88261	2.4534	-0.23259	0.782422
CNPY4	2.11977	3.01422	0.507873	0.982703
PRSS54	0.588612	0.249144	-1.24034	0.580744
PIK3AP1	2.23348	2.36077	0.0799626	0.963669
SLC35A2	19.3001	25.4485	0.398974	0.261756
TARS	60.9448	55.3591	-0.138684	0.8725
ACOT7	121.956	152.565	0.323068	0.363804
RPA2	33.1806	38.0466	0.197427	0.727261
ITGA10	0.16177	0.16181	0.000362251	1
MACROD2	0.00800947	0.0128062	0.677067	1
FKBP2	103.649	105.623	0.0272158	0.989365
SLC29A1	100.139	118.845	0.247077	0.593697
WDR44	1.42326	1.06963	-0.412091	0.409132
FH	58.9522	59.2534	0.00735229	0.997036
SAMD13	0.162855	0.0589031	-1.46717	1
SLC31A1	18.1404	12.972	-0.483802	0.092295

BCAP31	277.145	300.976	0.119009	0.906003
WDR76	7.37636	5.44062	-0.439137	0.173569
INO80C	14.2894	22.9093	0.680991	0.0235476
LRCH3	1.71241	0.998793	-0.777768	0.0875912
GPATCH4	24.5865	51.761	1.074	0.00134142
APOBEC3A,APOBEC3A_B,	20.2537	11.0741	-0.870999	0.00134142
MCM7	140.252	123.181	-0.187242	0.833623
KIDINS220	2.71176	1.83596	-0.562697	0.0608269
C12orf4	1.94206	1.82239	-0.0917604	0.958201
ALMS1	0.683507	0.501503	-0.446699	0.274547
USP54	1.16866	1.29431	0.147327	0.909435
MRPS18C	22.1875	22.8477	0.0423034	0.986822
OIP5	12.4315	12.367	-0.00750148	0.997036
SERPINE3	0.04835	0.0264241	-0.871663	1
TOPORS	3.04762	2.57512	-0.243045	0.724473
SRSF6	32.6812	35.4964	0.119212	0.900578
CCDC62	0.128773	0.129735	0.0107382	1
MAP1LC3C	1.05307	1.7224	0.70981	0.29298
RECQL	5.97469	5.06347	-0.238737	0.765576
PRRT3-AS1	5.92854	5.41767	-0.130005	0.966946
TMEM138	19.8469	33.6901	0.763414	0.646497
SLC19A1	25.295	46.3596	0.874015	0.00134142
DCHS1	0.0353019	0.0558042	0.660627	1
DERL2	35.813	34.2977	-0.0623705	0.970053
CRY1	11.116	9.95164	-0.159636	0.833258
SSBP1	306.691	340.554	0.151101	0.849166
FST	0.0287728	0.0195429	-0.558059	1
IL15RA	16.3875	13.4873	-0.280987	0.601061
PBDC1	24.6147	32.4038	0.396641	0.228296
RAD54L2	0.303839	0.344152	0.179739	1
LOC401074	0.127925	0.0907928	-0.494651	1
RNF123	10.2572	8.86274	-0.210815	0.810878
AKAP3	0.246031	0.0778498	-1.66007	1
LOC100126784	3.44574	1.40134	-1.29801	0.255176
SRSF7	55.4651	77.5435	0.483425	0.0796329
TNFRSF8	0.342353	0.110751	-1.62817	1
SRF	30.3366	27.4481	-0.144353	0.849027
ZDHHC6	18.5137	24.0049	0.374737	0.250722
BRCC3	3.62494	3.42095	-0.0835622	0.95835
FKBP1B	0.0583306	0.085159	0.545905	1
GPX2	0.0463969	0.0242824	-0.934116	1
CDKN1A	91.914	121.018	0.396862	0.20514
AP2S1	229.903	285.266	0.311282	0.3984
HNRNPH1	81.5067	136.646	0.745451	0.00243047
RNFT2	2.44236	1.49988	-0.70343	0.0757505
PFAS	10.3424	12.2484	0.244023	0.605459
PLAC8	0.0870013	0.0103843	-3.06663	1
CLN6	59.6444	65.9472	0.144923	0.849892
ZC3H13	1.06358	1.24777	0.230417	0.753531
EXOSC8	41.7034	30.4831	-0.452154	0.36389
ASF1A	6.05363	4.45669	-0.441828	0.3058
SARS	199.25	120.994	-0.719637	0.00509212
AP1AR	8.17925	5.31764	-0.621184	0.0270114
GDAP2	1.37896	1.45219	0.0746548	0.977527
EVC	6.89717	5.1079	-0.433274	0.172803
SGMS2	3.28217	3.62713	0.144178	0.869168
RSPH10B	0.0174376	0.011577	-0.590938	1
GPR82	0.011009	0.0152669	0.471721	1
DNAJC2	26.8929	41.0899	0.611561	0.264053
SUV39H1	11.7593	12.9486	0.138992	0.877493
FOXD4L1	0.673861	1.67404	1.31281	0.0270114
PAPLN	0.149603	0.125326	-0.25546	1
TFAM	7.5824	9.14789	0.270785	0.525846
BAZ1B	10.5209	13.3004	0.338213	0.321586
ATXN7L1	1.28545	1.09044	-0.23737	0.879021
LOC654433	2.89981	2.16304	-0.4229	0.71349
TIMM23	131.82	183.435	0.476697	0.0917667
SLC20A2	6.75653	8.48244	0.328196	0.763481
IGFBP7	0.0573667	0.0874232	0.607803	1
C16orf95	3.8919	3.24527	-0.262137	0.835119
CITED1	13.1181	22.0728	0.750711	0.0167292
C17orf53	5.57304	3.73956	-0.575596	0.10531
MOB1A	25.2726	21.9616	-0.202588	0.744425
TSPAN13	6.70489	5.99705	-0.160962	0.869898
SLC12A2	1.90047	3.21226	0.757237	0.00337323
PSMD1	24.4503	34.6018	0.500996	0.0691409
SFN	83.2218	297.64	1.83854	0.00134142
FANCB	0.459161	0.563956	0.296583	0.793038
NEK8	0.938292	0.739466	-0.343553	0.733876

ARHGAP31	1.54289	1.8763	0.282252	0.606953
PVRL4	0.0937939	0.0770588	-0.283534	1
PRMT5	74.7101	65.579	-0.188068	0.762783
ACER2	0.111418	0.153012	0.457662	1
APC2	0.858951	0.978827	0.188478	0.979701
DHFR	16.0254	14.1401	-0.18057	0.907689
MAP1LC3B	87.1489	52.1723	-0.740197	0.00425224
HSPBP1	47.579	62.3825	0.390816	0.207172
HAS2	0.583341	0.496448	-0.232698	0.875964
U2AF2	73.5932	146.13	0.98961	0.00134142
FAM225B	0.526772	0.27901	-0.916862	0.0573356
RNF6	13.4707	8.6672	-0.63619	0.0162707
SFT2D2	4.16938	3.39879	-0.29481	0.763725
SHROOM2	0.650387	0.450897	-0.5285	0.350616
KCTD5	32.899	45.1397	0.456355	0.112365
ZDHHC13	8.68946	6.13478	-0.502253	0.10328
CHAC2	5.09233	10.1355	0.993016	0.258427
LOC100507266	0.220304	0.156755	-0.490986	1
KBTBD8	1.14898	1.28703	0.163687	0.885254
PSMD12	37.3879	48.7768	0.383626	0.216539
SLC30A7	2.61589	2.72628	0.0596338	0.972989
MC1R	2.83131	2.45547	-0.205475	0.849725
BCYRN1	34.8466	72.1424	1.04983	0.923894
SRPRB	27.9927	40.3941	0.529094	0.0470437
ARL6	1.36867	0.958717	-0.513596	0.471178
UBXN7	2.09143	1.25732	-0.734136	0.0278845
MTAP	35.6917	40.9189	0.197181	0.736907
MAGOH	79.3762	109.939	0.469928	0.281574
NUDT5	121.729	124.082	0.027621	0.994615
C8orf48	2.8254	1.82626	-0.629568	0.177959
GLRX3	131.629	122.735	-0.100931	0.927082
NFKBIB	28.9745	33.4314	0.20642	0.920028
PSMB3	365.254	409.278	0.16418	0.809171
FBLIM1	0.444777	0.2314	-0.942693	0.298465
PCGF6	10.658	9.21701	-0.209563	0.735667
NTN1	3.49121	4.69016	0.425911	0.265804
SHC4	0.0252068	0.00764845	-1.72058	1
TSR2	32.5219	35.0383	0.107522	0.916838
CTSK	1.38232	0.574561	-1.26656	0.009453
DNAJC9	48.5395	64.85	0.417947	0.173163
FGD6	0.11663	0.0717577	-0.70073	1
SPC25	17.7699	16.4322	-0.112909	0.918342
COL23A1	0.0304792	0.0112925	-1.43245	1
FADS2	9.52153	6.24624	-0.608205	0.0463932
PDRG1	35.0402	48.7773	0.477199	0.090094
CA2	9.36999	13.6727	0.545182	0.0704662
YWHAB	61.0192	73.3119	0.264782	0.525783
TMEM109	36.6	51.3249	0.487813	0.0824049
PSMG1	83.3668	95.819	0.20084	0.716439
SPHK2	11.057	9.95058	-0.15211	0.98972
IRX5	0.565425	0.22942	-1.30135	0.109152
RBM8A	28.1316	30.8575	0.133429	0.906464
MPP7	0.221694	0.0818278	-1.43791	1
KLHL11	0.45232	0.331981	-0.446242	0.700897
COASY	58.4919	53.5333	-0.127801	0.888907
GLIS3	0.120483	0.0231263	-2.38122	1
BMP8B	1.03931	0.617611	-0.750853	0.887208
TMEM9B-AS1	0.387124	0.148363	-1.38366	0.271746
C16orf46	0.387523	0.477195	0.300297	0.863467
SKA2	20.7499	17.5207	-0.244045	0.605975
TMEM194A	7.81882	4.05935	-0.945702	0.00134142
LOC100132356	0.201707	0.250816	0.314368	1
CLEC18A	0.263279	0.111104	-1.24552	1
C14orf142	6.47773	7.7468	0.258113	0.92313
DDX49	41.5801	60.3371	0.537152	0.0394523
LOC339666	0.215687	0.111239	-0.955281	1
VEPH1	1.48071	0.855702	-0.79111	0.342771
GABPB2	1.20658	0.491831	-1.29469	0.0120701
MAFF	49.7431	28.2328	-0.817122	0.00134142
SNRPD1	82.8934	104.876	0.339359	0.33202
GLRX2	22.4949	26.2113	0.220589	0.737265
POLA2	11.4157	10.5526	-0.113432	0.923575
HNRNPD	150.727	174.911	0.214682	0.703835
SLC25A45	1.65035	0.662968	-1.31576	0.00818401
MYADM	53.5292	31.5094	-0.764544	0.00134142
NCBP1	13.7193	14.8585	0.115084	0.926899
C1orf159	17.4225	20.1848	0.212318	0.751467
SLC1A5	268.815	230.55	-0.221535	0.689101
TOMM20L	1.33501	0.47105	-1.5029	0.927569

UNC79	0.00486843	0.00240845	-1.01535	1
TBPL1	10.2319	9.46992	-0.111653	0.92969
SLIRP	356.462	481.75	0.434537	0.133508
C3AR1	0.190462	0.0537779	-1.82442	1
DHCR24	54.0913	97.7298	0.853402	0.00134142
CMAS	19.9377	15.1473	-0.396433	0.224736
ZNF655	21.8656	20.7859	-0.0730598	0.979701
KIAA1656	0.656104	0.610024	-0.105057	0.993845
TRIM36	2.49122	1.94036	-0.36053	0.416586
H2AFZ	576.389	716.228	0.313377	0.410986
HNF1A	0.612462	0.925369	0.595408	0.378668
DPM1	47.1053	41.1308	-0.195671	0.729849
PRDX1	577.996	865.559	0.582574	0.0340561
HAUS8	12.8095	14.6819	0.196823	0.787681
TOMM40	132.216	251.69	0.928749	0.00134142
PDE6D	11.6918	6.3463	-0.881508	0.00509212
SNORA71D	4.82725	16.7833	1.79776	0.819677
MFS2A	12.9996	37.7793	1.53913	0.00134142
CACNG6	0.0453618	0.0113191	-2.00272	1
LOC100133091	4.40316	4.83074	0.133706	0.96115
SSR3	274.091	216.662	-0.339208	0.375577
DNMT1	21.8505	26.9099	0.30047	0.421778
RAD51C	27.0766	27.5766	0.0264012	0.991767
PCYT1A	8.35955	9.42832	0.173577	0.845971
C2CD2L	8.21674	12.5499	0.611039	0.0349222
NOL10	7.607	11.6209	0.611318	0.0189207
SOWAHC	8.51281	12.2746	0.527968	0.0562227
CEP19	0.48153	0.696445	0.532384	0.496589
MTSS1	2.3921	2.49311	0.0596651	0.976618
NQO1	24.4356	24.7283	0.0171794	0.993379
FAM225A	0.91595	0.622226	-0.557829	0.258636
DNAJC11	21.6344	26.7094	0.304019	0.535133
TMC5	1.80739	1.49756	-0.271292	0.716242
MED22	51.8608	80.1966	0.628896	0.0601893
HBG2	0.873829	1.64976	0.91683	0.265309
HIST1H4A	0.592598	0.190825	-1.6348	0.421895
TMEM229B	0.368306	0.327982	-0.167286	0.946986
CTSL1	135.861	137.906	0.0215494	0.991767
AP1S3	0.0102777	0.00941666	-0.126237	1
FBXO24	0.363149	0.112665	-1.68852	0.885624
EIF3J	17.552	27.3147	0.638045	0.049309
SLC2A12	0.750005	0.372598	-1.00928	0.0167292
MYPOP	13.949	19.8645	0.510033	0.120065
MYOM2	0.0397497	0.0280402	-0.503445	1
DUSP6	22.1706	13.0184	-0.768095	0.00134142
ANP32A	60.9663	72.8687	0.257286	0.550445
MIPEP	12.8801	9.03675	-0.511269	0.0997646
PTPRG	1.60061	0.846621	-0.91883	0.00243047
TCF19	10.8416	10.111	-0.100647	0.930922
HRH1	2.42939	2.55139	0.0706885	0.969963
C1QTNF2	1.48361	0.81319	-0.86745	0.0630479
SMC1A	5.86975	6.35361	0.114276	0.907929
MCL1	87.9283	71.8538	-0.291262	0.4748
EIF2AK2	3.09592	2.95932	-0.0651001	0.973792
PSD3	0.00680664	0.00178924	-1.92759	1
NHLRC2	1.31304	0.784414	-0.743219	0.0318033
HS2ST1	4.38011	3.67936	-0.251514	0.70613
CEBPB	111.694	40.2553	-1.4723	0.00134142
REP15	0.940054	2.32843	1.30854	0.009453
FIZ1	7.64414	9.29874	0.282682	0.602446
REC8	0.787775	1.23486	0.648487	0.979875
MOB3B	0.698682	0.928719	0.410606	0.447323
RAB23	2.18902	2.71222	0.309187	0.592589
NTSR1	9.65686	12.8471	0.411811	0.21876
CREM	23.606	13.6972	-0.78527	0.00818401
PRKAR2A	1.16245	1.32288	0.186504	0.902703
CTHRC1	0.0381976	0.0371114	-0.0416206	1
C1QTNF9B	0.457875	0.858175	0.906316	0.913628
HSPB11	46.3268	44.8329	-0.0472919	0.979701
GRHL3	0.0121823	0.025537	1.0678	1
PCNA	105.643	134.296	0.346215	0.340063
MRPL20	174.62	242.89	0.476084	0.122086
ARL9	0.298402	0.150282	-0.98958	1
LINC00511	0.0449689	0.0177376	-1.34212	1
ZNF8	2.61581	2.67663	0.0331623	0.990857
FKBP5	7.76314	9.98085	0.362523	0.286255
C4orf27	18.9673	16.9446	-0.162691	0.833863
ALDH16A1	12.722	14.9569	0.233488	0.670632
ENOX2	1.49772	1.4015	-0.0957974	0.96099

ARL5B	2.96978	1.44474	-1.03955	0.00134142
MED6	20.4771	20.5243	0.00332701	0.998342
BTN2A3P	0.302777	0.359298	0.246924	0.905597
RTN4IP1	3.80086	3.98127	0.0669056	0.974169
MRPL32	74.8543	94.8834	0.342071	0.298707
PTRH2	56.3385	75.617	0.42459	0.16323
AGTRAP	89.665	52.2633	-0.778748	0.00243047
ADRM1	175.128	257.694	0.55725	0.0349222
HPS5	1.91544	2.04121	0.0917495	0.956033
NCLN	60.1418	89.3866	0.571691	0.0270114
POU5F1P3	0.0541347	0.0287661	-0.912184	1
G0S2	267.035	324.112	0.279463	0.503721
AGO2	22.0582	13.9677	-0.659224	0.010797
EFCAB7	0.92193	0.817632	-0.173206	0.930157
CELF3	0.0207137	0.0243986	0.236214	1
KALRN	0.0297129	0.0274072	-0.116539	1
DNAAF1	0.0251622	0.0038632	-2.70339	1
SMN2	4.83196	5.1457	0.0907589	0.958117
SLC46A3	3.74438	8.12601	1.11782	0.00134142
SLC33A1	5.18772	3.56873	-0.53969	0.101591
COMMD4	162.844	154.845	-0.0726656	0.957507
CACHD1	1.44698	1.15085	-0.330339	0.546592
WDR4	9.11984	19.0524	1.06289	0.00134142
CTSS	0.0317753	0.0317563	-0.000861638	1
BRCA1	4.5847	2.08933	-1.13379	0.00134142
PFDN1	93.8272	109.463	0.22236	0.654699
LOC400927	1.27268	0.767727	-0.729208	0.6442
NDOR1	14.7243	23.3987	0.668223	0.009453
CDCP1	30.9646	20.1445	-0.620232	0.0145499
C9orf3	2.59249	3.36598	0.376684	0.415129
UPF3B	5.83396	5.2541	-0.15103	0.872235
KBTD7	0.254821	0.141424	-0.849455	1
MEP1B	0.0152122	0.00828965	-0.875843	1
FBF1	1.458	1.04913	-0.4748	0.41836
CCT5	92.922	138.243	0.573111	0.0306129
SDSL	35.515	19.8775	-0.837294	0.00134142
RFPL2	0.274437	0.367801	0.422451	0.772137
HIST1H2BD	19.1012	24.9593	0.385918	0.529836
APIP	17.1485	13.6504	-0.329145	0.675022
PDSS1	7.58613	11.1718	0.558429	0.598176
EIF4EBP1	388.95	262.861	-0.565286	0.0314167
RPL13AP6	0.419357	0.370308	-0.179455	0.992797
IGF2R	6.35991	4.2736	-0.573554	0.0326415
IARS	83.1277	58.5153	-0.506515	0.066512
KIAA1875	0.126281	0.119061	-0.084937	1
MTMR2	7.49868	6.605	-0.183078	0.780271
DAGLA	1.47982	1.54742	0.0644496	0.979701
C22orf26	0.28725	0.266308	-0.109215	1
PLAUR	130.519	127.84	-0.029926	0.987693
ATP6V0A1	13.0624	13.3213	0.028309	0.988714
DPAGT1	28.6248	22.0629	-0.375647	0.252718
CHAC1	45.4066	2.33898	-4.27895	0.00134142
RBM19	15.427	22.9344	0.572058	0.0318033
C8orf31	1.20913	1.01599	-0.251074	0.858276
FAM196A	0.00971596	0.0135748	0.482501	1
HFE	1.44279	0.497374	-1.53646	0.00134142
STX18	17.8735	12.9814	-0.461377	0.118443
GTF2H2	0.967945	0.950815	-0.0257616	0.99451
SLC39A7	57.3285	77.4855	0.434674	0.147583
EPRS	29.522	16.6388	-0.827239	0.0608269
ST3GAL1	6.99642	7.32239	0.065698	0.965573
PCSK7	10.12	14.1771	0.486347	0.0925999
ALOXE3	6.16125	1.53303	-2.00684	0.00134142
ANKS1B	3.66945	2.65648	-0.466046	0.546683
GMNN	26.8446	33.562	0.322197	0.407645
ZWINT	37.8272	41.6465	0.138772	0.868469
MT1E	1984.15	1706.89	-0.217144	0.70303
EXO1	6.86744	6.24367	-0.137378	0.885254
LACE1	1.20503	0.342022	-1.8169	0.00134142
LOC100133985	2.48453	1.27586	-0.9615	0.298707
CCDC64	1.50124	3.38269	1.17202	0.00243047
FAM172BP	0.399048	0.0718774	-2.47295	0.0250278
NUP88	29.7338	22.9914	-0.37101	0.878808
LXN	10.8764	4.99299	-1.12323	0.168166
HOXC13	0.390458	0.322315	-0.276699	0.917325
DNMBP-AS1	0.0147502	0.017603	0.255086	1
LCLAT1	3.80844	4.40676	0.21052	0.730493
RPL26L1	90.3547	97.1647	0.104832	0.919165
HUNK	0.511304	0.883288	0.788703	0.0390303

SLC3A2	258.868	169.135	-0.61404	0.0222212
LOC441204	0.0782459	0.00527411	-3.89102	1
ZFP69B	1.46766	0.846335	-0.794215	0.107348
MARVELD3	1.63968	1.65958	0.0174021	0.995957
EIF6	309.601	374.143	0.273178	0.535903
TESC	57.6999	68.0545	0.23812	0.627322
SLC5A6	22.2965	47.8295	1.10109	0.00134142
KIF16B	1.62354	1.95014	0.26443	0.67787
HIST1H4C	1.48723	1.09498	-0.441728	0.880065
CYCS	27.2936	53.8919	0.981507	0.00134142
TPST1	3.18312	2.43077	-0.389026	0.470491
ERH	283.73	313.97	0.146107	0.853208
FAM154B	0.045235	0.0503421	0.154326	1
ULK4	0.405602	0.242059	-0.744707	0.20932
S100A14	0.33931	0.426614	0.330329	0.901686
WNK4	1.35284	0.570035	-1.24687	0.00243047
CARD9	1.61425	1.97951	0.294271	0.807726
NASP	56.4318	51.8883	-0.121099	0.906606
LOC100133161	0.163705	0.079043	-1.05039	1
FABP5	272.105	562.336	1.04727	0.00134142
ADCY7	7.15387	6.75006	-0.0838227	0.950929
RNF39	0.0869703	0.0336413	-1.37029	1
ZC3H12A	4.54988	5.43075	0.255324	0.709472
MTFR2	13.4814	12.3873	-0.122116	0.909435
C21orf67	1.8961	0.951387	-0.994932	0.102638
ARID5B	0.244139	0.0464284	-2.39462	1
AMOT	0.285535	0.101206	-1.49637	1
FLJ45513	0.0652037	0.0812565	0.317528	1
WDFY2	4.29015	3.20311	-0.421553	0.279046
MORC2-AS1	1.01809	1.9029	0.902345	0.401647
GJA9,MYCBP	10.5246	15.2882	0.538659	0.0544049
N6AMT2	9.53769	10.6933	0.164998	0.883143
EXTL2	6.75334	5.50193	-0.295664	0.500068
MEIG1	0.208498	0.0961526	-1.11663	1
SP140	0.152342	0.05259	-1.53446	1
EPHA2	91.2262	83.305	-0.131044	0.880115
EBNA1BP2	95.8079	177.847	0.892421	0.00134142
SMURF2	87.3171	79.77	-0.130417	0.882983
CHIC2	21.4958	11.4608	-0.907344	0.00243047
FAM90A2P	0.0743014	0.0666061	-0.157734	1
ZC3H12C	0.931777	0.820306	-0.183822	0.832742
TMPRSS6	0.0499574	0.0728513	0.544256	1
MCM8	2.55184	1.801	-0.502739	0.188097
HNRNPA3	51.8879	61.4299	0.243542	0.61004
TCOF1	32.1702	40.5979	0.335683	0.342801
GDF15	196.187	57.9797	-1.75861	0.00134142
CDC123	154.264	193.213	0.324789	0.580834
PAXB1-AS1	0.0956116	0.0622591	-0.6189	1
JUP	0.0268097	0.0392357	0.549412	1
DHRS7B	13.8328	11.8597	-0.222028	0.708923
LPP-AS2	0.42464	0.239164	-0.82824	0.966566
LYAR	29.9082	67.2487	1.16896	0.00134142
SLC37A1	8.08772	10.2949	0.348122	0.37259
PKI55	1.68916	2.1963	0.378766	0.439129
COL6A3	0.00520804	0	#NAME?	1
LOC399815	0.432017	0.239742	-0.849608	0.757853
C9orf72	4.36607	1.94684	-1.1652	0.00134142
GMFG	0.371239	0.20536	-0.854197	0.700137
UHL5	12.5121	13.3194	0.09021	0.966409
PDZK1	0.0925474	0.102165	0.142639	1
KCNMB2	0.0141492	0	#NAME?	1
CFP	0.280096	0.493432	0.816933	0.435273
ZMPSTE24	10.6363	14.2711	0.424098	0.159615
CD160	0.1954	0.142511	-0.45536	1
SLFN1	0.203339	0.132316	-0.619899	1
C17orf107	0.164172	0.296386	0.852266	1
CCDC58	50.5872	54.8212	0.115962	0.911876
SLC9A8	3.83062	2.87502	-0.414006	0.266731
MELK	13.297	10.4417	-0.34875	0.356483
SLCO1B1	0.0583381	0.0256817	-1.1837	1
SNORA80	15.9977	6.09681	-1.39174	0.899904
RFC3	7.75499	8.28098	0.0946763	0.948088
SRSF3	88.0611	103.522	0.233359	0.634692
TXNL4B	7.57722	6.95441	-0.123739	0.972989
SNAI1	11.0722	10.1491	-0.125592	0.921047
HSPE1,HSPE1-MOB4,MOB-	435.497	950.071	1.12537	0.141455
ZFHX2	0.201983	0.152857	-0.402054	1
C6orf52	3.0617	2.10211	-0.54249	0.539871
STAR	0.102664	0.0594265	-0.788748	1

TPE2P1	0.0142097	0.00220875	-2.68558	1
LOC642852	0.956575	0.685232	-0.481286	0.300705
RRN3P2	0.0720251	0.0376685	-0.935142	1
LOC100506083	0.369006	0.134417	-1.45693	0.925191
LOC619207	0.133508	0.146587	0.134835	1
RFC4	36.1159	27.5324	-0.391506	0.917325
LOC100507117	0.0197453	0.0402015	1.02574	1
SLC45A4	5.95365	7.85051	0.399012	0.322788
JMJD6	29.6291	53.2705	0.846322	0.00134142
NPTN	25.4518	26.1608	0.0396341	0.982703
PRPF3	11.8771	15.3238	0.367592	0.2823
PLBD2	10.6262	9.14012	-0.217341	0.737966
PTPRCAP	2.00228	1.23005	-0.70292	0.44885
CARS	35.277	13.327	-1.40438	0.00134142
SPATA5	0.846558	0.897464	0.0842448	0.96128
SFPQ	74.6618	89.7626	0.265744	0.53058
PRICKLE1	0.00974718	0	#NAME?	1
MIR17,MIR17HG,MIR18A,M	5.82248	7.70596	0.404341	0.548694
DPY19L1	3.73194	3.89576	0.0619801	0.972989
ATG4C	2.73663	2.03773	-0.425441	0.334518
WAS	0.24474	0.083371	-1.55363	1
TYW1B	1.11301	1.34997	0.278466	0.738508
MAGOHB	4.23439	5.65904	0.418402	0.249612
RNF217	0.590353	0.255615	-1.20761	0.0732879
KRTAP5-8	0.114366	0.104092	-0.135797	1
CACNA1I	0.00630179	0.00184568	-1.77161	1
DDO	0.0260942	0.00997379	-1.38752	1
KLHDC7B	0.119535	0.0109749	-3.44516	1
C16orf45	0.101157	0.0636896	-0.667459	1
SLC39A3	34.3803	42.4333	0.303616	0.585223
SATB2	1.5654	1.54829	-0.0158538	0.994978
NES	8.45029	8.15249	-0.0517602	0.977103
MT2A	9042.26	10489.5	0.214192	0.728863
ATP6V1H	41.7024	25.8055	-0.692451	0.00593755
TRIM56	1.83422	2.50158	0.447672	0.377924
LG12	0.209794	0.175069	-0.261053	1
PDCL3P4	0.156773	0.0373432	-2.06976	1
DDX46	6.13452	8.00618	0.384165	0.227784
RPA4	0.331671	0.493343	0.572837	0.954559
KIAA0922	3.04965	3.58392	0.232895	0.711277
TSLP	4.28121	0.373282	-3.51968	0.00134142
DDX39A	82.7713	121.213	0.550338	0.0377654
C11orf75	17.6477	18.4361	0.063057	0.974169
TANK	8.14538	7.55213	-0.109098	0.958814
GOT1	42.4848	22.3255	-0.928251	0.00134142
NPB	1.04484	1.2862	0.299829	0.990857
SLC7A11	2.26995	0.171503	-3.72636	0.00134142
GPR114	2.59823	2.50328	-0.0537062	0.979875
PAPL	16.4684	7.88386	-1.06273	0.00134142
ATAD2	13.9131	10.8332	-0.36098	0.284624
ZWILCH	5.42852	5.65006	0.0577067	0.976214
LRR1	19.8758	27.2908	0.457402	0.215245
ZNF121	1.4867	1.20943	-0.297796	0.748946
KLLN	0.1689	0.113759	-0.570198	1
ALG8	29.0937	30.7067	0.077846	0.977402
FLJ27352	1.29037	0.526421	-1.29349	0.908114
HPCAL4	1.33831	0.58993	-1.18179	0.00134142
GINS4	6.30422	6.37352	0.0157731	0.994615
CDCA5	44.8949	45.8885	0.0315803	0.987693
IFLTD1	0.0153612	0.0136304	-0.172468	1
ZNF326	6.0932	6.38355	0.0671583	0.967901
LINC00242	0.446615	0.568653	0.348517	0.830163
HOXD4	1.32727	0.930125	-0.51297	0.617065
SLC27A4	59.9969	116.123	0.9527	0.00134142
SNORA70	77.0767	63.7874	-0.273023	0.986822
CD4	0.0429067	0.0910064	1.08477	1
ALKBH8	1.10712	1.30921	0.241886	0.75896
FLJ44313	0.539981	0.374729	-0.527063	0.606359
MAP1LC3B2	4.71827	3.90207	-0.274019	0.787338
AIFM1	41.862	38.3892	-0.124942	0.900876
SLCO5A1	2.54885	2.45899	-0.0517787	0.981753
LOC100653515	0.0239464	0.017547	-0.448581	1
ANXA1	295.464	270.938	-0.125022	0.895818
LAMC2	0.145309	0.025094	-2.53371	1
FAR2	3.62752	1.59624	-1.18431	0.00134142
QLAH	0.0486382	0.0778916	0.679378	1
DTL	8.3613	6.6847	-0.322865	0.573076
PRTFDC1	6.30322	4.76238	-0.404407	0.331815
RANBP1	194.117	295.02	0.603885	0.0231741

SERPINI1	0.418732	0.26345	-0.668498	0.457945
ZNF860	0.0649159	0.0777457	0.260191	1
TXNRD1	31.1564	34.5781	0.150332	0.845971
SLC35F6	22.3606	20.3892	-0.133157	0.877191
THSD1	1.13149	1.24883	0.142355	0.934181
WBSCR22	134.384	121.546	-0.144859	0.851127
RAD18	4.22339	4.80101	0.184939	0.7854
C5orf4	0.0151784	0.0358942	1.24173	1
SUN3	29.9444	12.7491	-1.23189	0.00134142
ABHD8	11.2101	8.07044	-0.474081	0.24748
ABCC5	6.42402	7.43935	0.211699	0.82731
NUDC	507.022	472.263	-0.102458	0.92969
ADAM21	0.0490864	0.0209527	-1.22819	1
YRDC	35.1405	48.0055	0.450068	0.427193
CPLX1	6.65785	12.9742	0.962513	0.00337323
PHGDH	154.509	79.1788	-0.964509	0.00134142
SLC6A9	4.9476	2.18057	-1.18202	0.14478
DHX34	13.1704	24.2947	0.883338	0.00134142
MOCOS	18.2761	6.58511	-1.47268	0.00134142
ENTPD7	3.3249	1.87324	-0.827775	0.284421
BFSP1	0.307191	0.30265	-0.0214861	1
RIN2	0.0548173	0.0308959	-0.827216	1
RNASEH1	11.874	12.5476	0.0796097	0.958814
FAM71F2	0.0633574	0.0369527	-0.777832	1
AQP6	0.0204569	0.00576159	-1.82805	1
ALG6	3.1435	2.75124	-0.192292	0.810854
APOO	15.8908	11.2759	-0.494953	0.16323
AGPAT9	7.4161	5.36225	-0.467821	0.167189
DOHH	22.9463	37.445	0.706511	0.00882987
FRMD3	0.0221038	0.0377309	0.771452	1
GLIPR1L2	0.106405	0.0572385	-0.894504	1
ITGA2	1.27715	0.602683	-1.08345	0.00134142
MRPL1	11.1805	13.4467	0.266258	0.619929
ULBP1	1.54588	0.478988	-1.69036	0.00134142
OXCT1	24.4332	18.419	-0.407646	0.189877
RAB37	0.118545	0.0437125	-1.43931	1
GPD2	4.94363	3.69474	-0.420099	0.180352
TERT	1.12391	1.38571	0.302098	0.761311
DNAJC6	2.02344	1.37885	-0.553346	0.0925999
ACER1	0.499557	0.490216	-0.0272336	0.996079
PPP1R15A	248.519	55.9365	-2.1515	0.00134142
AANAT	0.175104	0.170445	-0.0389072	1
UHRF1	23.4321	43.2452	0.88405	0.00134142
LDLRAD4	0.0743143	0.05106	-0.541447	1
FKBP14	2.89441	3.24956	0.166976	0.844196
SESN2	75.4562	9.64074	-2.96842	0.00134142
NRBF2	8.00305	5.74127	-0.479181	0.169924
GOLGA6L10	0.0782574	0.0326855	-1.25958	1
GTF2I	1.07519	0.971748	-0.145942	0.92313
KIF9	1.154	1.33835	0.213813	0.966946
CFL1	934.875	1278.41	0.451501	0.152398
MREG	6.54934	10.5415	0.686657	0.0101293
CCDC102B	0.0538941	0.0221426	-1.28331	1
IDI2-AS1	1.85777	3.12059	0.748242	0.937765
TBC1D3P1-DHX40P1	0.0311964	0	#NAME?	1
HAT1	31.1309	30.809	-0.014993	0.99449
NHSL1	1.0169	0.929064	-0.130323	0.930505
SNORA71B	5.27986	3.80551	-0.472411	0.982256
EIF5A	1114.26	1611.2	0.53205	0.0708615
KLB	0.0546345	0.0790968	0.533807	1
SOAT2	0.189916	0.0884254	-1.10283	1
LOC153684	0.202387	0.314618	0.636484	1
ARHGAP40	1.84395	0.699997	-1.39738	0.00243047
RAD21-AS1	0.0885723	0.0486263	-0.865119	1
NPR3	0.00902376	0.00110116	-3.03471	1
CHAF1A	16.8747	20.2179	0.26077	0.574725
DOC2B	1.1502	1.23342	0.100777	0.979733
IQGAP2	0.00967685	0.00349283	-1.47014	1
ALG3	82.4445	84.2841	0.0318367	0.987693
NRP2	0.981531	1.16716	0.249895	0.76182
FAM49A	0.0327264	0.0017244	-4.24628	1
POLA1	2.79487	2.19579	-0.348037	0.396027
MTHFD2	101.789	58.6885	-0.794436	0.00337323
RBM26-AS1	0.234562	0.138192	-0.763299	1
GP1BA	0.161706	0.106606	-0.601086	1
KIF24	0.835444	0.446468	-0.903985	0.630254
FLJ34208	0.0765826	0	#NAME?	1
RGPD3	0.0449098	0.0278039	-0.691747	1
ABCA12	0.00438125	0.00292612	-0.582353	1

CSRNP1	10.1008	12.6936	0.329629	0.421895
SNRPA1	63.2576	78.7142	0.315384	0.392997
TMEM51	6.57089	14.4741	1.13932	0.00134142
PDE3B	1.16628	1.71396	0.555415	0.125756
EMP2	4.57016	5.25123	0.20041	0.746516
C11orf65	0.47234	0.143438	-1.7194	0.115486
PPP1R3F	1.02281	1.46947	0.522762	0.35352
RNF144B	0.303025	0.0665511	-2.1869	1
PRR22	12.7085	12.4719	-0.027112	0.991767
GINS3	7.63953	12.83	0.747968	0.00593755
CRYBB3	0.340472	0.400769	0.235235	0.965573
UPK3B	1.58439	3.47215	1.1319	0.0167292
C16orf59	12.2072	13.6777	0.164085	0.87016
PHLDA2	136.679	322.326	1.23773	0.00134142
RASSF8	0.156757	0.0917671	-0.772477	1
CTAGE4	0.115498	0.0826111	-0.483465	1
SNORD97	7.8939	11.3175	0.519749	0.979701
DIXDC1	1.02882	1.036	0.0100225	0.997036
CCDC151	0.663777	0.318507	-1.05937	0.148987
CAMKMT	3.57653	2.80312	-0.351527	0.588286
MGC16142	1.1657	1.64468	0.496607	0.500802
COL24A1	0.00516324	0.00718247	0.476203	1
RASSF5	0.671182	0.528549	-0.344665	0.720797
HNRNPA2B1	190.028	195.037	0.0375368	0.985921
FIGNL1	3.61598	2.40558	-0.588004	0.0688198
MYBL2	24.0965	23.861	-0.014172	0.994615
TBX2	0.109634	0.0256853	-2.09367	1
GRIN3A	0.0551477	0.0408909	-0.43152	1
NR3C2	0.280821	0.0762448	-1.88094	1
KLF2	50.5771	23.8264	-1.08592	0.00134142
C3orf58	3.30832	3.52071	0.0897709	0.956296
FBXO16	1.00263	0.349415	-1.52077	0.0205623
VKORC1L1	10.8311	11.8722	0.132403	0.913984
FAM43A	4.20822	3.09463	-0.443444	0.370983
LOC440173	0.033729	0.0220146	-0.615528	1
SCARNA9L	1.30919	1.54304	0.237103	0.991076
YY2	0.677327	0.768662	0.182497	0.970053
ALOX5AP	0.0593399	0	#NAME?	1
ANKFN1	0.092342	0.0145375	-2.66721	1
HIST1H3G	1.77061	2.77399	0.647714	0.657112
SGPP2	0.958203	0.577396	-0.730769	0.425831
TCHP	5.27487	5.77932	0.131764	0.903932
DNAH6	0.0240621	0.00292244	-3.04152	1
NECAB2	0.149068	0.0453665	-1.71627	1
SLC16A14	3.19334	2.63773	-0.275768	0.617065
TMEM194B	12.6512	5.94797	-1.08881	0.00134142
APOBR	0.0412117	0.0147336	-1.48394	1
BNIP3	0.0456379	0.0404695	-0.173397	1
SLC7A5	118.305	119.424	0.0135855	0.994978
SLCO3A1	2.69589	2.58222	-0.0621469	0.979733
CXorf48	0.0135767	0.0295714	1.12307	1
RBM28	24.0855	24.4414	0.0211615	0.991767
SFXN2	7.84367	5.19869	-0.593381	0.0539552
C4orf26	0.0349812	0.0247486	-0.49923	1
CPEB1	0.0151883	0.0200622	0.401516	1
TENM3	0.262913	0.144759	-0.860931	1
PSG5	0.02562	0	#NAME?	1
DKK3	0.217043	0.0198283	-3.45235	1
ENPP6	0.0434604	0.00515347	-3.07608	1
NRGN	23.0693	24.474	0.085274	0.957507
C15orf48	0.136199	0.174639	0.35866	1
TMEM209	7.77051	3.4521	-1.17054	0.00134142
TCTE1	0.112922	0.0777594	-0.538234	1
GARS	96.4142	51.5035	-0.904576	0.00134142
PARD6G-AS1	0.634909	0.905221	0.51172	0.949303
KLF6	12.0694	6.90866	-0.804871	0.00134142
MACC1	0.00976192	0.00397341	-1.29679	1
THAP10	1.19756	0.669036	-0.839941	0.119771
SLC1A4	11.4692	5.42603	-1.0798	0.00134142
ISG20	55.1337	30.286	-0.864282	0.00134142
ZNF528	0.0241731	0.00388688	-2.63672	1
FRRS1	0.598787	0.205748	-1.54116	0.00672555
C3orf52	8.65896	11.9728	0.467492	0.138263
YARS	81.1672	61.7437	-0.394605	0.274963
FBLL1	0.337532	0.666819	0.982269	0.509077
GINS2	34.0508	52.9596	0.637202	0.009453
SLC4A8	1.21207	1.09873	-0.141636	0.969296
TRIB3	165.921	27.952	-2.56947	0.00134142
LILRB3	0.0346934	0.0737961	1.08888	1

ALPK3	0.0420663	0.0217047	-0.954661	1
LOC100128568	0.0905159	0.128127	0.501332	1
PKMYT1	75.9628	70.6793	-0.104005	0.952469
SRR	0.962686	0.684995	-0.490973	0.980556
PABPC3	0.0362448	0.00868435	-2.06129	1
PINLYP	1.07863	1.14254	0.0830384	0.987693
ATP5EP2	1.23589	1.23192	-0.00464387	0.99714
COL9A3	17.3354	9.38553	-0.885212	0.0150729
DOLPP1	25.3087	28.1609	0.15406	0.842695
JPH3	0.0568913	0.0428991	-0.407261	1
ESCO2	3.50846	3.57196	0.0258779	0.991569
SAMD12-AS1	0.117935	0.150479	0.351577	1
ANGPT2	0.018047	0.022991	0.349307	1
LINC00507	0.0547008	0.0199515	-1.45507	1
ULBP2	17.423	15.4956	-0.169137	0.830816
RAD51	10.0681	10.6109	0.0757512	0.959465
UBXN8	7.8949	8.28373	0.0693596	0.970558
MIS18A	21.0102	20.4885	-0.0362762	0.985982
PTGDR2	1.35721	3.54834	1.3865	0.606431
CDC6	11.754	16.315	0.473047	0.108219
LAMP3	1.14178	0.459385	-1.31351	0.00337323
PFDN2	335.795	347.511	0.0494785	0.982156
PKD1L1	0.143432	0.0861603	-0.735267	1
FUS	61.4199	76.1499	0.310137	0.475737
ZNF488	0.376479	0.484304	0.363344	0.748691
FAM83A	0.0408666	0.036259	-0.17258	1
SLC27A2	17.6766	11.8802	-0.57328	0.036526
CDC45	22.7127	17.7639	-0.354546	0.334685
CLSPN	1.27434	2.15906	0.760647	0.00743393
SLC30A1	5.05827	3.05618	-0.726918	0.036526
NFKBIA	45.6416	36.259	-0.332012	0.362074
PYY	0.137626	0.0511152	-1.42893	1
ANKRD32	1.05942	1.21511	0.197809	0.853235
IFI30	68.1645	91.0996	0.418426	0.1718
SKA3	14.8135	14.0123	-0.0802225	0.979701
LOC100505679	0.449933	0.401572	-0.164049	0.982497
ZNF573	0.188635	0.177897	-0.0845488	1
CHRNA5	2.41371	3.76048	0.639667	0.0419471
SEC11C	40.3466	55.4003	0.457445	0.135879
PPID	32.0628	48.7192	0.60359	0.0167292
BEST3	0.41037	0.0986733	-2.0562	0.00337323
EZH2	25.442	18.2021	-0.483103	0.0924793
CSTF2	11.6269	13.5814	0.224174	0.700392
AMMECR1	1.75266	1.34825	-0.378453	0.415129
MEI1	0.0213133	0.00593488	-1.84446	1
MDH1B	0.238719	0.0798884	-1.57925	1
LNPEP	0.873357	0.627521	-0.476908	0.392573
DGKH	0.346621	0.267658	-0.372971	1
NCKAP1L	0.0517606	0.0071649	-2.85284	1
SLC41A2	0.842353	0.597434	-0.495647	0.379176
HMSD	7.25841	4.25506	-0.770475	0.0854642
FAM134B	0.690269	0.323092	-1.09521	0.0183825
TSNAXIP1	0.0518341	0.0405881	-0.352843	1
CNSH6.4	0.16226	0.247223	0.607509	1
CHM	2.22712	1.24478	-0.839286	0.0156972
ATAD3C	0.19041	0.151462	-0.330157	1
WNT3	1.70023	0.854269	-0.992972	0.101591
ABRA	0.0225798	0.00621799	-1.86051	1
LHX4	0.945711	1.17921	0.318344	0.899352
PCDH11Y	0.0395146	0.020666	-0.935128	1
KIAA0101	34.0302	16.7805	-1.02003	0.00134142
HTR2B	0.0406982	0.135843	1.73891	1
HIVEP3	0.31636	0.36579	0.209448	0.909694
MYO1F	0.0899418	0.078626	-0.193986	1
GFPT2	25.8173	46.646	0.853417	0.00134142
LOC284009	0.116681	0.265901	1.18832	1
GALNS	12.5651	10.7288	-0.227934	0.698688
TRIM67	0.00606384	0.0080193	0.403244	1
ARMC9	3.22353	2.41718	-0.415317	0.414208
KCNA6	0.00899642	0	#NAME?	1
LINC00565	0.680858	0.413997	-0.717733	0.315951
HOXB-AS5	2.04748	1.74529	-0.230378	0.933023
LOC389634	1.40765	1.34131	-0.0696491	0.990857
LHFPL5	0.0675193	0.00975292	-2.79139	1
AKAP12	2.23805	0.887672	-1.33414	0.00134142
PTPLB	0.685851	0.827111	0.270186	0.889644
RFTN1	0.0159568	0.0383295	1.26429	1
GADD45B	85.3584	29.717	-1.52224	0.00134142
TIPIN	8.17739	9.9801	0.287414	0.588125

ENO4	0.172715	0.222884	0.367901	1
FAM81A	0.969415	1.33103	0.45736	0.386225
C1orf116	0.00801107	0	#NAME?	1
FSCN2	0.142858	0.124032	-0.203866	1
HCLS1	1.33194	1.00611	-0.404732	0.631872
TAF13	12.7647	20.1845	0.661094	0.0599768
KIF26B	0.287519	0.423439	0.558496	0.420042
SH3BP5L	96.1048	95.3553	-0.0112954	0.995957
SLC44A4	0.0610765	0.0113628	-2.42629	1
ALYREF	156.205	229.574	0.555521	0.0331269
PAPPA2	0.00973644	0.00854743	-0.187904	1
KIAA0513	0.883354	0.859819	-0.0389585	0.989268
LOC100131496	0.0220414	0.0119943	-0.877865	1
IL13RA2	158.833	124.952	-0.346137	0.339736
CCRL2	2.65829	1.01841	-1.38418	0.00134142
PLD1	0.243844	0.13995	-0.801049	1
GOLIM4	0.892971	1.48665	0.735376	0.0851035
LOC641367	0.0641312	0.0193898	-1.72573	1
SPATA17	0.25868	0.0143342	-4.17363	1
IL18R1	0.18837	0.123228	-0.61224	1
TSEN15	17.2275	10.343	-0.736064	0.00818401
PCDHB4	0.051832	0.0444491	-0.221689	1
TMEM180	7.71604	7.5201	-0.0371076	0.986822
BMP4	0.847014	1.76293	1.05752	0.0278845
SLC16A6	0.545651	0.285535	-0.93431	0.217352
RIMS4	0.0104113	0.0112783	0.115393	1
ZNF781	0.0877842	0.0543469	-0.691763	1
MYH3	0.221235	0.413623	0.902739	0.0698587
MAGIX	0.96851	1.00124	0.0479498	0.990857
MX2	0.0531157	0.0110352	-2.26702	1
KIF5A	0.0118258	0	#NAME?	1
GK	1.27412	0.649743	-0.971558	0.00672555
ACTR3C	0.826916	0.927583	0.165735	0.993528
ABHD3	5.27915	6.79145	0.363413	0.386225
EIF5AL1	4.25899	5.86699	0.462109	0.142081
ELOVL6	9.23309	11.3819	0.301861	0.447323
PCK2	84.6047	31.4597	-1.42723	0.00134142
SLC4A5	6.06016	4.99021	-0.280255	0.508719
RHOB	47.8566	27.853	-0.780886	0.00134142
LOC553103	0.281103	0.187758	-0.582227	1
PRSS22	12.1385	41.9309	1.78842	0.00134142
TSSK2	0.927263	1.86524	1.00831	0.621939
RPL19P12	0.093593	0.0416658	-1.16754	1
ADM	87.8328	53.8588	-0.705577	0.00509212
MTBP	3.26786	2.25952	-0.532333	0.869283
FEN1	28.1695	52.0107	0.884674	0.00134142
LINC00628	0.130663	0.0854941	-0.611955	1
SEC1P	0.0388097	0.0373616	-0.054862	1
HSH2D	0.481263	0.713673	0.568436	0.474875
PRKXP1	0.176612	0.228913	0.374213	1
WDR88	0.0489333	0	#NAME?	1
LOC100616530	0.249577	0.303263	0.281087	1
ITGB1BP2	0.545571	0.480038	-0.18462	0.991578
COL5A2	0.0422494	0.00757676	-2.47928	1
STOML1	6.08575	4.32169	-0.493838	0.289628
MFNG	0.172156	0.0938842	-0.874763	1
C1orf106	0.36825	0.193522	-0.928186	0.158777
AMIGO3	3.99698	6.58047	0.71928	0.524713
CBWD3	0.462076	0.478035	0.048987	0.990371
GPR113	0.0209888	0.0367724	0.809001	1
ZDHHC14	1.85358	3.38257	0.867805	0.0240561
SNX22	0.671623	0.548748	-0.291507	0.987423
KCND3	0.024592	0.0761797	1.63122	1
LOC100506207	0.180948	0.0721935	-1.32563	1
MIRLET7DHG	0.74879	0.604382	-0.3091	0.83713
FBXL22	0.204407	0.176993	-0.207753	1
OASL	0.0154237	0	#NAME?	1
FLVCR1-AS1	3.02189	2.39543	-0.335166	0.742477
CXorf22	0.0227316	0.00197883	-3.52198	1
CCDC87	0.0303449	0.045944	0.598421	1
ZNF672	152.354	165.06	0.115568	0.909036
LOC100292680	0.0258732	0.0246239	-0.0713954	1
MPP6	4.37621	5.26932	0.267935	0.645335
CCDC148	0.0806727	0.0255124	-1.66088	1
LOC646626	3.88532	2.60082	-0.579068	0.956033
POP1	6.75262	12.0074	0.830408	0.00134142
SLC43A2	5.33696	6.6624	0.320022	0.548564
ORC6	19.5752	28.2821	0.530861	0.0569429
MGC2889	0.0583338	0.0311593	-0.904669	1

LONRF3	3.00849	2.4382	-0.303227	0.674264
VAMP5	0.104683	0.0502897	-1.05769	1
KRTAP2-2	0.15567	0.0438601	-1.82751	1
HIST1H2BM	0.204237	0.209815	0.0388724	1
RBMS1	0.17612	0.106558	-0.724922	1
LOC100129534	0.68053	0.254063	-1.42147	0.0764532
C17orf82	0.539638	0.337097	-0.678829	0.75494
BCL2A1	45.5799	38.1539	-0.256568	0.576888
BMP8A	0.271406	0.239271	-0.181803	1
APOBEC2	0.0440747	0.0242064	-0.864563	1
SERTAD1	111.434	118.883	0.0933534	0.937403
KRT81	0.782327	0.972746	0.314292	0.837012
MIR22,MIR22HG	6.15447	12.7264	1.04812	0.00134142
LOC100505648	0.432376	0.171377	-1.33511	0.245718
HIST1H2BL	1.95006	1.65936	-0.232891	0.947247
OR7E37P	0.241202	0.15328	-0.654072	1
C21orf7	0.195006	0.0903761	-1.1095	1
HCG17	0.592927	0.425243	-0.479566	0.979733
SLFNL1-AS1	0.19548	0.21708	0.151202	1
FKRP	3.61551	4.55566	0.333461	0.948179
SNORA53	2.32998	1.60138	-0.541007	0.967901
LOC100129269	0.0459602	0.110608	1.26699	1
SERPINB8	8.37117	5.82113	-0.524131	0.0868006
NCR3LG1	0.327378	0.287922	-0.18528	1
CEP41	1.5945	1.25995	-0.339738	0.529836
MRO	0.00494956	0.0016042	-1.62545	1
AIG1	42.4729	21.9069	-0.955157	0.00134142
GCNT4	0.0431992	0.0137614	-1.65038	1
ZBED3-AS1	0.242453	0.165508	-0.550802	1
DSCC1	8.13215	11.7305	0.52855	0.0710419
HVCN1	0.0719129	0.0987427	0.457424	1
ALG10	1.7696	1.13137	-0.645359	0.123542
C4A,C4B	0.023765	0.0120462	-0.980263	1
KIAA0408,SOGA3	0.00797552	0.00524394	-0.604929	1
PIANP	0.113297	0.0332068	-1.77056	1
SLC28A2	0.0415889	0.0100149	-2.05406	1
POLE2	6.60154	6.69677	0.0206627	0.99351
PPP4R4	0.577946	0.592104	0.0349154	0.995302
MESP2	0.0973148	0.016698	-2.54299	1
TAP2	26.4301	28.6651	0.117115	0.925586
SLC25A34	0.224466	0.0869191	-1.36875	1
HBEGF	28.4037	33.8645	0.253697	0.568619
RND1	2.47332	1.01849	-1.28001	0.00243047
SPPL2A	4.86353	5.25194	0.110845	0.934644
CHDC2	0.0120356	0	#NAME?	1
MCM10	5.49524	8.74112	0.669636	0.00882987
LOC100505865	0.26319	0.061969	-2.08649	1
KCNE1L	0.885939	0.590037	-0.586403	0.58256
SNORA68	12.7117	15.7275	0.307124	0.986822
DUSP18	0.414375	0.409959	-0.0154578	0.997036
GSTT2	1.18405	1.81367	0.615179	0.400128
MYLPF	0.215274	0.23236	0.110183	1
ACTL8	2.45162	1.96638	-0.318192	0.727456
KRT15	0.119669	0.0393882	-1.60321	1
LOC100652770	0.171039	0.186882	0.127804	1
PSAT1	96.9428	35.8558	-1.43493	0.00134142
SLC22A14	0.0450207	0.0316661	-0.50765	1
RASIP1	0.318093	0.275522	-0.20728	1
LINC00574	0.147373	0.120919	-0.28543	1
ZNF648	0.0424166	0.00599107	-2.82374	1
NLRP9	0.0965923	0.0615963	-0.649066	1
RARB	0.097151	0.0835415	-0.217736	1
ZBED6	0.132933	0.180029	0.437531	1
ARHGDI8	0.0593659	0.0535124	-0.149761	1
FBXL2	0.044123	0.0797533	0.854013	1
ARHGEF38	0.00386727	0.0108772	1.49192	1
FOXP3	0.262841	0.261361	-0.00814717	1
MRPL42P5	0.496558	0.634835	0.35442	0.887135
ACOX2	1.10995	0.619867	-0.840461	0.14478
EVI2B	0.0227385	0.00783081	-1.53791	1
IER3	65.9582	62.0741	-0.0875612	0.945946
POU5F1B	0.612146	0.276628	-1.14593	0.174284
AP4S1	0.636708	0.824218	0.372394	0.919029
HIST1H2BH	19.5149	13.6781	-0.512704	0.3703
FLJ42289	0.0507725	0.0457934	-0.148907	1
CRYM	0.96154	0.685851	-0.487453	0.729625
C14orf105	0.0238807	0.0203062	-0.233923	1
NIPAL2	0.282965	0.255691	-0.146223	1
SCG5	0.332211	0.490825	0.563109	0.619231

MT1G	0.624097	1.06778	0.774772	0.763851
USP29	0.00608596	0.00258441	-1.23565	1
GPR56	0.0270858	0.0371715	0.45666	1
ICAM4	0.256445	0.468511	0.869434	0.416586
SYCE1	0.0556586	0.0430309	-0.371231	1
LOC653786	0.0268965	0.0286114	0.0891698	1
FAM151B	0.200416	0.160407	-0.321262	1
OPCML	0.00383318	0.00564235	0.557757	1
DOK3	4.91643	5.93554	0.271769	0.723754
SPATA25	0.169204	0.293533	0.794757	1
SOX6	0.00286569	0.000981922	-1.5452	1
DISP1	0.260217	0.118111	-1.13957	1
TMEM221	0.166723	0.255337	0.614951	1
SLC16A13	15.4096	6.09218	-1.3388	0.00134142
LOC100507346	0.0514595	0.0319027	-0.689758	1
MTRNR2L3	0.192039	0.149119	-0.364936	1
MTUS2	0.111254	0.057089	-0.962575	1
C9orf117	0.49164	0.850985	0.791532	0.886142
RNF148	0.310871	0.205286	-0.598681	1
MPZL3	0.22618	0.072081	-1.64978	1
CHN1	0.059119	0.0373078	-0.664145	1
PCAT1	0.0485025	0.00432168	-3.48839	1
BNIP1	0.240889	0.181054	-0.411951	1
ARHGAP24	0.157437	0.124157	-0.342608	1
FLJ13197	0.0130653	0.0242596	0.892818	1
ZNF280A	0.0120231	0.00426475	-1.49528	1
TSPAN10	1.43619	0.444052	-1.69345	0.0390303
CNKSR1	0.566707	0.954406	0.752001	0.215985
CTAGE9	0.0857	0.0651431	-0.395683	1
YY1P2	0.0860698	0.0435847	-0.981686	1
HIST1H2AM	5.80997	4.28695	-0.438579	0.721071
ESPNL	0.100183	0.0677616	-0.5641	1
LOC284837	0.0507209	0.0675083	0.412486	1
GDAP1	2.27604	2.03259	-0.16321	0.874734
GCNT2	0.00548865	0	#NAME?	1
SPARCL1	0.00716128	0.0148949	1.05653	1
PSMD6-AS2	0.247198	0.132463	-0.900076	1
DSEL	0.00258176	0.0010155	-1.34616	1
BEST1	0.226143	0.0114665	-4.30192	1
TMEM220	0.0945447	0.0526913	-0.843434	1
GTF2H2C,GTF2H2D	1.65587	1.6334	-0.0197187	0.995221
RBMXL2	0.0721	0.0350794	-1.03937	1
ASRGL1	1.58088	1.56508	-0.0144946	0.996631
FAM173B	2.02411	2.143	0.0823396	0.966946
LOC100288846	0.537599	0.206574	-1.37987	0.911837
OR7E12P	0.0281913	0.0417861	0.567774	1
CCBP2	0.0243007	0.0103199	-1.23557	1
HOXB-AS3	1.3291	0.752666	-0.820366	0.869168
FITM2	1.57551	2.41281	0.614897	0.396027
FGF1	0.0376972	0.102837	1.44783	1
TNNC2	0.302963	0.321751	0.0868075	1
SUSD2	0.17166	0.0559071	-1.61845	1
SIGLEC11	0.0310933	0.0104181	-1.57751	1
LAT2	0.931182	1.16854	0.327578	0.770579
AQP7P3	0.546649	0.45164	-0.275441	0.950929
SCN4A	0.0156167	0.00763992	-1.03146	1
ADM5	4.4876	6.2706	0.482662	0.29172
CALHM2	0.445915	0.866751	0.958849	0.140336
NEK5	0.251903	0.11346	-1.15069	1
DACT1	0.00973761	0.00338144	-1.52593	1
F10	0.308574	0.172319	-0.840531	1
TMEM17	0.786761	0.252173	-1.64151	0.0162707
CRIP1	0.306556	0.210719	-0.540833	1
BDNF	0.0565565	0.0467283	-0.275397	1
LDB3	0.0311353	0.0260707	-0.256122	1
FBXW4P1	0.423701	0.703925	0.732376	0.948179
ALMS1P	0.0161918	0.0396635	1.29255	1
GPR19	0.482382	0.123837	-1.96173	0.0322484
POPDC2	0.291438	0.172298	-0.758286	1
SRL	0.00727419	0.00232336	-1.64658	1
CDYL2	0.213369	0.160998	-0.406312	1
CHRNA10	1.61088	2.11139	0.390341	0.654699
SLC26A8	0.00870889	0.00270688	-1.68586	1
PDE6A	0.0166352	0.0142927	-0.218957	1
HTRA4	0.0291224	0.00956757	-1.60591	1
TLR5	0.0243997	0	#NAME?	1
CCDC17	0.363449	0.272708	-0.414396	0.822719
LMCD1	0.114664	0.143439	0.32303	1
ITGB7	0.0503778	0.0501266	-0.00721075	1

SELPLG	0.158479	0.174465	0.138643	1
EPN2-IT1	0.0393221	0.02907	-0.435811	1
GRASP	0.605935	0.542978	-0.158269	0.965265
LRRRC71	0.598052	0.129969	-2.2021	0.0403066
SP7	0.0113815	0.0124786	0.132762	1
CDC14C	0.0087053	0.0147885	0.764513	1
ZNF426	0.0300649	0.00339142	-3.14812	1
TOP1P1	0.108264	0.074508	-0.539085	1
DDX25	0.0150959	0.0319864	1.0833	1
LOC646903	0.138985	0.180892	0.380198	1
SCARNA9	6.94133	5.52031	-0.330463	0.930488
TRIM61	0.0183646	0.00563763	-1.70377	1
SAMD15	0.0635582	0.122439	0.945918	1
C6orf99	0.478055	0.145437	-1.71678	0.334316
MESTIT1	0.00763557	0.00615521	-0.310927	1
TTC25	0.0712457	0.00406306	-4.13216	1
RIMBP2	0.00494378	0.00579313	0.228727	1
EID3	0.272295	0.341586	0.327082	1
SCARNA7	22.6122	19.5821	-0.207564	0.986529
AURKAPS1	0.899525	0.670967	-0.422921	0.945946
LY6G6C	0.0511132	0.0553301	0.114368	1
SCARNA1	1.38475	1.59144	0.200712	0.991459
EDN1	0.0295219	0.00495615	-2.57449	1
LRRRC4	0.00763807	0.049471	2.6953	1
MAGEA12	0.0188461	0.0259848	0.463404	1
FAM46B	1.27296	0.195338	-2.70414	0.00243047
FLJ40292	0.0236942	0.0157386	-0.590229	1
LOC100505676	0.0214189	0.0171027	-0.324661	1
WDR65	0.0180503	0.0117699	-0.616923	1
HIST1H2AJ	1.91165	1.20966	-0.660214	0.721145
LOC100134259	0.0262399	0.0288337	0.135992	1
AKNAD1	0.0239153	0.0121226	-0.980236	1
CDKN2B-AS1	0.249773	0.210303	-0.248148	1
PSTPIP2	0.0248141	0.0429817	0.792559	1
HIGD2B	0.0359344	0.0262662	-0.45216	1
ZNF699	0.0570255	0.0371741	-0.61731	1
HRC	0.0486355	0.01462	-1.73407	1
ADAMTS9	0.19941	0.242302	0.28107	1
OR51B4	0.06874	0.0144737	-2.24772	1
SETBP1	0.00281353	0.00307541	0.1284	1
HRASLS2	0.0519169	0.0731631	0.494914	1
APOA2	1.09002	0.566164	-0.945066	0.5209
SLC22A1	0.0840148	0.178617	1.08815	1
CXCR2	0.0110596	0.00773438	-0.515941	1
CHST5	0.51378	0.569361	0.148194	0.956807
C16orf3	0.0405079	0.0171807	-1.23742	1
ART5	0.907217	0.258963	-1.8087	0.0470437
SLC38A4	0.088633	0.0376973	-1.23338	1
GLDC	0.0296569	0.020366	-0.542203	1
ADCYAP1R1	0.0294376	0.00441462	-2.7373	1
MIP	0.0496457	0.0213712	-1.216	1
MLLT10P1	0.132874	0.0878414	-0.597083	1
AQPEP	0.0208546	0.00209903	-3.31257	1
GPR84	0.0243532	0	#NAME?	1
LOC644961	0.182614	0.176162	-0.0518904	1
TGFB1	0.0115327	0.0324559	1.49275	1
CD163L1	0.265237	0.138135	-0.941205	1
C17orf74	0.907713	0.355641	-1.35182	0.064193
C2orf66	0.20551	0.159925	-0.361809	1
SORBS1	0.249617	0.101622	-1.29651	1
GNAT2	0.101772	0.0548454	-0.891902	1
C5AR2	0.0395677	0	#NAME?	1
ZNF671	0.011255	0.0147095	0.386176	1
ALDOB	0.0786431	0.111269	0.500658	1
LOC145783	0.271946	0.104317	-1.38235	1
LRRN4	2.385	1.16845	-1.0294	0.0222212
BATF2	0.359694	0.0828711	-2.11783	0.0713011
SCARNA14	39.7266	4.52344	-3.13461	0.71659
TAGLN3	0.0341923	0.0348416	0.027139	1
NHLRC4	0.0212024	0.00767822	-1.46539	1
ROR1	0.0738059	0.0402609	-0.874357	1
NINJ2	1.30297	1.56154	0.261169	0.892501
DQX1	0.0654287	0.0423019	-0.629199	1
GPATCH11	1.29544	0.956349	-0.437835	0.600127
TLR9	0.0116719	0.0216592	0.891934	1
SCARNA17	8.39468	7.32665	-0.196321	0.921047
TF	0.0107906	0.00762204	-0.501529	1
MIR3651,SNORA84	38.0936	14.6986	-1.37387	0.844123
FOXDL6	0.0761311	0.183373	1.26823	1

GNMT	0.41335	0.832895	1.01077	0.895717
MARS	51.5511	33.7668	-0.610396	0.111587
KRT222	0.108084	0.0710399	-0.605453	1
RAMP2-AS1	0.0417602	0.0415059	-0.00881389	1
MIXL1	0.112166	0	#NAME?	1
SNORA40	29.5723	12.7654	-1.21201	0.501903
C1orf101	0.00756959	0.0231592	1.6133	1
APOL1	0.0612186	0.0673757	0.138258	1
C2orf50	0.0794549	0	#NAME?	1
HIST1H1D	2.04507	0.667814	-1.61463	0.0326415
GGT8P	0.0136598	0.0127756	-0.0965451	1
SNORA21	39.2712	35.2798	-0.15463	0.993108
GNAT1	0.00916046	0.00275589	-1.7329	1
HERC5	0.071666	0.044422	-0.690014	1
RSPH10B2	0.0262513	0.0337019	0.360442	1
QRFP	1.99101	1.5446	-0.366267	0.904096
CD74	0.048528	0.0250583	-0.95353	1
IFITM5	0.0760884	0.055216	-0.46259	1
SNORA61	55.7567	97.5349	0.806775	0.972339
HIST1H4H	5.30857	2.79151	-0.927279	0.193966
PTGER4	0.292994	0.0989329	-1.56635	1
SNORA4	7.45104	4.89387	-0.606466	0.965607
NID2	0.0936894	0.0746899	-0.326972	1
OCM	0.0938077	0.0848568	-0.144675	1
FAM129C	0.167001	0.0769061	-1.11868	1
SNORA32	14.8159	2.43223	-2.6068	0.651698
ZC2HC1C	0.238723	0.105586	-1.17693	1
EPCN	0.01959	0.0205471	0.0688183	1
RPL21P44	0.0556753	0.0353654	-0.654699	1
GAL3ST1	0.0377557	0.0139683	-1.43454	1
MCF2	0.0061481	0.0064565	0.0706126	1
HIST1H2AG	2.31666	2.47366	0.0946005	0.984481
ODF3L2	0.843926	0.258318	-1.70797	0.0743087
NBEA	0.00207432	0.00247577	0.255237	1
MYCT1	0.0338577	0.00347899	-3.28274	1
NAT2	0.0196492	0	#NAME?	1
UBAC2-AS1	0.441153	0.147143	-1.58405	0.90439
PP2D1	0.0490825	0.0388838	-0.336041	1
SNORA16A	8.43867	4.3471	-0.956962	0.953061
DMGDH	0.00749899	0.0023659	-1.66431	1
LOC440600	0.15621	0.0997782	-0.646687	1
RYR3	0.00518349	0.0190965	1.88131	1
LOC100996291	0.012997	0.00396104	-1.71423	1
ISPD	0.101736	0.0836407	-0.282547	1
SLC7A11-AS1	0.0160888	0	#NAME?	1
MYLK2	0.474543	1.05378	1.15096	0.0250278
KCNH6	0.0988114	0.0557936	-0.824579	1
GPR1	0.012819	0.00851487	-0.590222	1
PPL	0.00603731	0.00663581	0.136368	1
TVP23A	0.161538	0.0974763	-0.72875	1
KANSL1-AS1	0.819718	0.571921	-0.51931	0.983187
SCARNA8	6.90437	1.05711	-2.70739	0.798756
C17orf50	0.0785492	0	#NAME?	1
CASC1	0.00895633	0	#NAME?	1
USHBP1	0.278077	0.319475	0.200218	1
TM4SF20	0.010744	0.018009	0.745189	1
FLJ40852	0.0566953	0.0208137	-1.44569	1
HOGA1	0.0462731	0.0419764	-0.140596	1
LINC00312	0.0168134	0.00508024	-1.72665	1
ENG	2.81281	2.6526	-0.0846053	0.970195
DHX58	0.0444509	0.0317726	-0.484428	1
RPL23AP64	0.357509	0.356781	-0.0029424	0.998514
CABP4	0.0143033	0.00531754	-1.42751	1
SCARNA2	4.75027	4.51906	-0.0719864	0.987627
CST6	0.104436	0	#NAME?	1
F13B	0.00937517	0.0160379	0.774571	1
SYNPO2	0.00590295	0.00214645	-1.45948	1
TREX2	0.55987	1.2312	1.13691	0.202966
LOC100240735	0.0388845	0	#NAME?	1
C6orf58	0.0770946	0.0165804	-2.21715	1
NRXN2	0.0489192	0.00596506	-3.03579	1
DHRS2	0.183292	0.149337	-0.295579	1
TPH1	0.0137348	0.0358429	1.38385	1
TMIGD2	0.0351606	0.0244233	-0.525701	1
DFNA5	0.0130963	0	#NAME?	1
TMEM169	0.0152665	0.0124688	-0.292041	1
SHE	0.00439503	0.00974732	1.14913	1
SYNGR4	0.211261	0.0168683	-3.64664	1
GPX3	0.0546053	0.0188048	-1.53794	1

S100A5	0.0448174	0	#NAME?	1
PLEKHH2	0.00332603	0.00337003	0.0189628	1
CALCB	0.0996312	0	#NAME?	1
GRM2	0.075045	0.0166561	-2.1717	1
PON1	0.0278956	0.0394747	0.500891	1
KCNMA1	0.00468175	0	#NAME?	1
PSPN	0.606991	0.866818	0.514055	0.89195
MT1B	0.35056	0.0599693	-2.54737	0.671133
TMEM156	0.0263846	0.00446545	-2.56282	1
SNORD8	16.2993	12.1015	-0.429619	0.979733
C9orf152	0.0236951	0.0440858	0.895722	1
HAS2-AS1	0.0436717	0.0703752	0.688369	1
MMP23B	0.0651424	0.082726	0.344744	1
CXADR	0.0355346	0.0595484	0.744836	1
CHST11	0.00978691	0.0171327	0.807831	1
INSM1	0.317397	0.229187	-0.469765	1
CCL3	0.0567757	0.0910522	0.68142	1
CPNE5	0.118359	0.0639714	-0.887675	1
H3F3C	0.0325572	0.0604626	0.893067	1
SPOCK2	0.0418238	0.0169115	-1.30632	1
CACNA1G-AS1	0.0245062	0.0165394	-0.567243	1
KBTBD12	0.0102753	0.00682772	-0.589706	1
MTUS1	0.389205	0.166175	-1.22782	0.0349222
NFATC2	0.0044602	0.00684655	0.618269	1
PDZRN4	0.00793204	0.011172	0.494129	1
LOC727896	0.0160991	0.0180429	0.164449	1
LRG1	0.0746771	0.079246	0.0856722	1
CCDC65	0.0145917	0.0652823	2.16155	1
CLDN20	0.0233248	0.0176767	-0.400014	1
ACRBP	0.333035	0.0640698	-2.37796	1
OTUD7A	0.132559	0.0926292	-0.517091	1
DNAH7	0.00186996	0.00124501	-0.586847	1
TAS1R1	0.0192512	0.00611723	-1.654	1
ARHGEF26-AS1	0.0307298	0.0302489	-0.0227539	1
GRIN1	0.0947797	0.134735	0.50747	1
PIP5K1B	0.148872	0.0432112	-1.7846	1
PP14571	0.0540357	0.0405322	-0.414846	1
LUST	0.202137	0.184558	-0.131253	1
CCDC108	0.00576944	0.00484996	-0.250459	1
OR5K2	0.0326659	0.0318609	-0.036	1
FABP5P3	0.037511	0.0269288	-0.478164	1
LIN28A	0.00712862	0.00570404	-0.321638	1
SCARNA16	16.4784	4.35591	-1.91953	0.902188
ZNF876P	0.135401	0.056292	-1.26624	1
CXCCL3	0.662447	0.389577	-0.765897	0.432091
LOC100506368	0.242359	0.00987239	-4.6176	1
BDNF-AS	0.188449	0.0494349	-1.93057	1
SLC6A20	0.0115428	0.00542784	-1.08855	1
SPDYE2L	0.0337731	0.0374296	0.148307	1
OAS2	0.0330279	0.0298101	-0.147883	1
SNORA20	4.80368	3.48821	-0.461652	0.979701
FAM209A	0.383396	0.163458	-1.22991	0.926104
FMO5	0.169627	0.0618289	-1.45601	1
ADRA1A	0.0214541	0.0159297	-0.429534	1
PTAFR	0.0665059	0.0897004	0.431633	1
DSCR9	0.0803567	0.060029	-0.420758	1
MAB21L2	0.0275911	0.0306048	0.149558	1
TPI1P3	0.0544713	0.0662532	0.282495	1
NCF1	0.0383998	0.0602864	0.650734	1
TNS4	0.00843327	0.0145915	0.790967	1
POU2AF1	0.0125283	0.00422087	-1.56958	1
LINC00659	0.959641	0.416854	-1.20295	0.317328
C6orf165	0.0376043	0.0194056	-0.954425	1
PCDHB19P	0.0151019	0.0103305	-0.547814	1
C11orf86	0.0387676	0	#NAME?	1
ESRP1	0.0310813	0	#NAME?	1
EME2	0.48626	0.60383	0.312413	0.930066
CYP17A1	0.035107	0.0140295	-1.3233	1
LSP1	0.0278366	0	#NAME?	1
RSPH1	0.479528	0.160197	-1.58177	0.0925999
KIAA1751	0.008094	0	#NAME?	1
HIST1H3J	0.157685	0.0567242	-1.47501	1
ARX	0.0232875	0.00965631	-1.27001	1
SLC25A18	0.130398	0.185382	0.507579	1
CPNE9	0.0967728	0.198028	1.03303	1
NFE2	0.0470505	0.0323109	-0.542189	1
DOK7	0.0506037	0	#NAME?	1
GPR35	0.753187	0.732471	-0.0402361	0.993379
GPR89B,GPR89C	0.112408	0.124121	0.142998	1

TRIM59	0.151356	0.191001	0.335633	1
PRSS57	0.0601059	0	#NAME?	1
ESRG	0.0919617	0.143535	0.642297	1
PPP4R1L	0.18382	0.0696559	-1.39998	1
COL9A2	0.0158594	0.0148801	-0.0919573	1
S1PR4	0.0454249	0.0163728	-1.47219	1
WDR38	0.0358991	0.0241702	-0.570721	1
AMN	0.126451	0.020651	-2.61429	1
HIPK4	0.189651	0.0911404	-1.05718	1
LOC388553	0.0317355	0	#NAME?	1
ACPT	0.0457578	0	#NAME?	1
STAT4	0.0306798	0.00579949	-2.40329	1
SLC5A11	0.0339348	0.024242	-0.485259	1
DCAF4L1	0.154963	0.197531	0.350156	1
TREM1	0.037316	0.00624005	-2.58016	1
AFF3	0.00891242	0.00398381	-1.16167	1
KRTAP2-3	2.67789	1.14462	-1.22624	0.0640789
GTF2A1L,STON1,STON1-G	0.0105737	0.00465184	-1.1846	1
SNORA31	10.153	9.42888	-0.106742	0.995528
LIPG	0.117249	0.102561	-0.193091	1
KCNK7	0.733235	1.15938	0.661009	0.435611
LAIR1	0.0641959	0.0950803	0.566664	1
CILP2	0.122137	0.0755158	-0.69365	1
CYP26A1	0.0804688	0.0625844	-0.362627	1
KRTAP4-6	0.229998	0.0703295	-1.70942	1
SEMA3E	0.00944023	0.0207847	1.13863	1
FEZ1	0.0615695	0.0144166	-2.09448	1
KRTAP5-9	0.16427	0.156374	-0.071067	1
ANPEP	0.035314	0.0380484	0.107594	1
ZFP3	0.0248548	0.0762747	1.61768	1
CABP7	0.0601932	0.0694502	0.20638	1
SLC35F1	0.0139235	0.00415922	-1.74314	1
PRR23C	0.0331381	0.0209763	-0.659728	1
CASQ1	0.0362245	0.00892236	-2.02147	1
SLC4A9	0.0935373	0.0130397	-2.84263	1
RSPH9	0.161854	0.147311	-0.135827	1
LCE1B	0.106776	0.0298353	-1.8395	1
EIF3C,EIF3CL	0.0477448	0.0287764	-0.730458	1
AHCTF1P1	0.00637566	0.00356039	-0.840539	1
MATN3	0.0254803	0.0213461	-0.255408	1
TAS1R3	0.242384	0.208298	-0.218647	1
LGR5	0.0360615	0.0165354	-1.1249	1
VN1R2	0.076442	0.0287468	-1.41097	1
AMH	0.527444	0.589419	0.160276	0.979944
ACTA1	1.18462	1.41283	0.25416	0.897976
LY96	1.97237	0.50279	-1.9719	0.0245451
MYBPC2	0.0242559	0.0242971	0.00244677	1
PTPRM	0.0246873	0.00326179	-2.92003	1
ATP8B5P	0.0420766	0.0147212	-1.51513	1
CALCRLL	0.00911547	0.00110493	-3.04436	1
HUS1B	1.02415	1.00389	-0.0288271	0.997323
RFPL4A	0.311316	0.0789231	-1.97986	1
LOC730227	0.0155569	0.0104596	-0.57272	1
CALHM1	0.0394881	0.0460514	0.221825	1
MYH7B	0.0790011	0.0257419	-1.61775	1
C19orf35	0.0904157	0.0736588	-0.295716	1
PDE6G	0.0667577	0.123332	0.885538	1
ATP6V0A4	0.0243579	0	#NAME?	1
KRT5	0.217182	0.256874	0.242152	1
ANKRD30BL	0.0939355	0.0492033	-0.932915	1
MPP4	0.0253084	0.00989401	-1.35499	1
SAMD14	0.0379278	0.0157452	-1.26834	1
ZNRF3-AS1	0.0636813	0.00474854	-3.74531	1
CCM2L	0.0540431	0.016034	-1.75297	1
HIST1H3E	0.44991	0.49652	0.142215	0.990857
VPREB3	0.721583	0.572661	-0.333485	0.931473
SBSN	0.07508	0.107089	0.512305	1
LCN2	0.17267	0.0864681	-0.997782	1
VN1R5	0.0452095	0.0197401	-1.1955	1
BVES	0.00664647	0.00411373	-0.692141	1
LTA	0.189791	0.0710241	-1.41803	1
NOX1	0.0684175	0.129299	0.918274	1
SPIB	0.181914	0.153919	-0.241086	1
DEFB131	1.37073	0.568807	-1.26893	0.780271
LRRC33	0.267707	0.11623	-1.20367	1
FRK	0.0345758	0	#NAME?	1
PLG	0.0182989	0	#NAME?	1
SRD5A3-AS1	0.0779716	0.0568241	-0.456446	1
PTPRG-AS1	0.0155038	0.010076	-0.621693	1

PRICKLE2-AS3	0.0131577	0.0131857	0.00306517	1
SLA2	0.0525027	0.0294651	-0.833386	1
GOLGA6C	0.00669765	0.00962718	0.523458	1
NLRP6	0.0666743	0.018398	-1.85758	1
C22orf24	0.0707369	0.0662596	-0.0943348	1
SLC7A14	0.00359222	0.00190687	-0.91367	1
FCER2	0.170173	0.0787568	-1.11153	1
HIST3H2BB	0.356327	0.521304	0.548924	0.929005
PRR18	0.0289372	0.0411454	0.507807	1
NBPF7	0.0929472	0.136509	0.554508	1
CD79B	0.0522591	0	#NAME?	1
MBOAT4	0.0311656	0.0464935	0.577074	1
HIF3A	0.00991567	0.00917692	-0.1117	1
LINC00304	0.131077	0.140844	0.103679	1
SYN1	0.0358552	0.118116	1.71994	1
RAB40AL	0.101399	0.116931	0.205617	1
TNF	0.0317338	0.0215653	-0.557309	1
DPY19L2P4	0.0589405	0.0228977	-1.36406	1
PROSER2-AS1	0.014295	0.0104075	-0.457889	1
LOC100288842	0.685809	0.206124	-1.73429	0.306997
HSD52	0.126426	0.0322543	-1.97073	1
TMEM119	0.0198345	0	#NAME?	1
ASAH2	0.0644066	0.0664396	0.0448341	1
KLHL14	0.0383695	0.00839245	-2.1928	1
CAMK2B	0.0450775	0	#NAME?	1
CD7	0.174007	0.0614334	-1.50205	1
GPBAR1	0.532541	0.824207	0.630116	0.674625
MAP1LC3A	0.28637	0.0571656	-2.32466	1
TACSTD2	0.0382635	0	#NAME?	1
GNG3	0.173299	0.186552	0.106313	1
TLL2	0.0380366	0.0113181	-1.74875	1
GJC2	0.148166	0.880986	2.5719	0.0292254
PDE1B	0.0161103	0	#NAME?	1
SNORA27	53.0312	31.2986	-0.760743	0.948088
RASL10A	0.449691	0.402386	-0.160354	0.979701
HIST1H4D	1.10105	0.723133	-0.606545	0.82657
LOC100133669	0.102654	0	#NAME?	1
BEX4	0.227127	0.102052	-1.1542	1
SH2D6	0.0826655	0	#NAME?	1
USP44	0.0101745	0.0207944	1.03124	1
LCN1	0.0836056	0.0350163	-1.25557	1
SPTBN5	0.0261562	0.0448657	0.778456	1
MSN	0.022209	0.0157768	-0.493338	1
SCARNA22	79.476	8.96995	-3.14735	0.642621
LPAR6	0.0145296	0.00317954	-2.1921	1
UOX	0.0227734	0.00475108	-2.26102	1
PACSIN1	0.0415916	0.00954393	-2.12364	1
KRT86	0.0734947	0.0351154	-1.06554	1
SLC22A9	0.0379497	0.00857573	-2.14576	1
GNG13	0.0753011	0.0555877	-0.437905	1
CHRFAM7A	0.0790994	0.0408325	-0.953949	1
AFAP1-AS1	0.0133039	0.00506072	-1.39444	1
KIAA1456	0.0122459	0.0136856	0.160352	1
MYEF2	0.00657897	0.0034739	-0.921305	1
LOC158572	0.0628513	0.0500356	-0.328986	1
CPB2-AS1	0.00988008	0.00224893	-2.13528	1
NLRP3	0.207113	0.0722982	-1.51839	1
DDX43	0.013397	0.0776831	2.53569	1
SNORA65	15.874	11.3793	-0.480255	0.979484
NCAM1	0.00674437	0.00619739	-0.122023	1
C14orf183	0.100295	0.0759956	-0.400257	1
PREX1	0.0331107	0.0139974	-1.24214	1
FLT4	0.0137674	0.00312571	-2.139	1
C1orf54	0.511888	0.32406	-0.659564	0.773888
NR2E3	0.0855961	0.0349579	-1.29193	1
ZNF521	0.0907392	0.0071078	-3.67425	1
MMP10	0.0215405	0.00939427	-1.1972	1
SYCE3	0.3354	0.244638	-0.455237	1
C13orf45	0.0383549	0.0104116	-1.88122	1
SNORA6	5.61503	7.16567	0.351809	0.987693
PDCL2	0.0472323	0.12001	1.34531	1
NSG1	0.0193378	0.0189141	-0.0319606	1
SNORD33	158.495	103.745	-0.611389	0.965607
SIGLEC10	0.0178159	0.00428874	-2.05454	1
LUZP4	0.021394	0	#NAME?	1
FRZB	0.0164604	0.0123604	-0.413266	1
CNTN4	0.00713186	0.00188638	-1.91866	1
PAPPA	0.00363782	0.0007371	-2.30314	1
C1orf227	0.117599	0.0804125	-0.54839	1

PNLDC1	0.0726018	0.161731	1.15552	1
HIGD1B	0.265567	0.323083	0.282827	1
CELA1	0.0609036	0.0294696	-1.0473	1
HIST1H2BF	0.986284	0.597487	-0.723096	0.797015
FADS1	0.00957256	0.0155241	0.697534	1
GPA33	0.0174981	0.00850501	-1.04081	1
FAM65C	0.0132465	0.00380659	-1.79903	1
WDR11-AS1	0.0540911	0.0252769	-1.09757	1
FOXDL3	0.0334676	0.090672	1.43789	1
PRCD	0.290365	0.109857	-1.40224	1
C10orf62	0.0408912	0	#NAME?	1
LOC100996455	0.0392215	0.00450202	-3.123	1
SLC6A17	0.00834337	0.00229138	-1.86441	1
SNX29P1	0.0591668	0.145019	1.29338	1
KISS1	0.128093	0.036978	-1.79245	1
TEX40	0.100276	0.0772452	-0.37646	1
SLC22A20	0.189836	0.0932507	-1.02557	1
WFD3	0.117419	0.0424349	-1.46834	1
SNORA41	7.02834	4.8157	-0.545438	0.979701
CSF2	0.0792525	0.403317	2.34739	0.312486
KRTAP3-3	0.0827036	0	#NAME?	1
SNX29P2	0.0393918	0.0593901	0.592328	1
CYP27A1	0.0604038	0.206309	1.77209	1
SCRT1	0.0298322	0.0759473	1.34813	1
L1CAM	0.0115817	0	#NAME?	1
MAF	0.0157629	0.00285402	-2.46547	1
GPR22	0.0144767	0.0136019	-0.0899258	1
CLIC3	0.170063	0.0878043	-0.953708	1
SYNE4	0.308088	0.0568385	-2.4384	1
FSIP1	0.0288338	0.0297944	0.047281	1
EPHX3	0.154595	0.0343161	-2.17153	1
NOX01	0.688664	3.32065	2.26959	0.00134142
IDO1	0.101252	0.0640481	-0.660724	1
CERS1	0.223566	0.116955	-0.93475	1
LOC100506321	0.127546	0.14126	0.147331	1
ASB4	0.0102324	0	#NAME?	1
LRRN4CL	0.16249	0.200591	0.303909	1
TMEM150C	0.0766688	0.0363644	-1.07611	1
CAPNS2	0.0590493	0.108574	0.878688	1
DLG2	0.0170615	0.00403187	-2.08122	1
HEPACAM2	0.0237064	0.00768785	-1.62462	1
SLC19A3	0.0140995	0.0121993	-0.208848	1
PIP5K1P1	0.0137023	0.00281025	-2.28564	1
IL13	0.192436	0.0282842	-2.76631	1
GZMM	0.670645	0.564554	-0.248438	0.950031
C10orf131	0.127439	0.0579161	-1.13777	1
S100A1	0.493157	0.320812	-0.620318	0.961432
OXTR	0.197146	0.25155	0.351581	1
TAL2	0.452944	0.580881	0.35891	0.912153
SEPT7L	0.148043	0.0904669	-0.710552	1
WNT16	0.0359607	0.0256933	-0.485029	1
BTBD8	0.0770358	0.0176877	-2.12278	1
FAM215A	0.142969	0.0785834	-0.863409	1
SFTP3	0.0504752	0.0639595	0.341585	1
DCDC2B	0.0514127	0.0526741	0.0349694	1
MTTP	0.0242997	0.00206577	-3.55618	1
DMC1	0.0591572	0.0101136	-2.54826	1
OPN4	0.0374522	0.00802555	-2.22238	1
CFB	0.021994	0.0156917	-0.487108	1
AKR7A2P1	0.110399	0.0394963	-1.48293	1
AEBP1	0.0193593	0.0201516	0.0578666	1
C12orf70	0.161345	0.0809238	-0.995516	1
LOC100506385	0.0434023	0.00358215	-3.59887	1
CCDC173	0.0194352	0.0284215	0.548309	1
MYH16	0.0275687	0	#NAME?	1
ACTL7B	0.0849332	0.0593948	-0.515993	1
LRRC46	0.541013	0.245268	-1.1413	0.908114
DPF3	0.214415	0.0538847	-1.99245	1
LSAMP	0.00484483	0	#NAME?	1
GUSBP2	0.157299	0.162065	0.0430602	1
LRFN1	0.0512097	0	#NAME?	1
LINC00629	0.0418502	0.0552269	0.400138	1
ANKRD26P1	0.00782671	0.0028775	-1.44359	1
PACRG	0.0429001	0.00659429	-2.70169	1
LURAP1	0.0369216	0.0283961	-0.378773	1
GPR135	0.393751	0.476593	0.275473	0.947731
CHRM5	0.0181187	0.0104555	-0.793217	1
CPED1	0.00883267	0.00794667	-0.152499	1
C1orf61	0.0852366	0	#NAME?	1

SYPL2	0.0195466	0.046722	1.25719	1
CXCL1	0.431821	0.348264	-0.310252	0.896051
BTBD19	0.0795017	0.0644822	-0.302085	1
HSPB6	0.0707317	0.0248444	-1.50944	1
HGFAC	0.0598103	0.0659568	0.141127	1
MYO1A	0.0521882	0.00917296	-2.50826	1
PPP1R36	0.0493011	0.0390822	-0.335108	1
FOXN4	0.0510597	0	#NAME?	1
CASP1	0.208035	0.0735804	-1.49943	1
EFHB	0.0355714	0.0152851	-1.21859	1
LOC91948	0.0719403	0.0388	-0.890744	1
ECT2L	0.0973009	0.117931	0.27742	1
SEMA3G	0.0185245	0.00500843	-1.887	1
SLC8A2	0.0248325	0.00433484	-2.51818	1
VWF	0.0097387	0	#NAME?	1
OLFML2A	0.0137025	0.0113862	-0.267147	1
CCR6	0.0815592	0.0576245	-0.501165	1
PDZD2	0.00635177	0.00262901	-1.27264	1
PIGR	0.0194861	0.0196568	0.0125869	1
SLC6A10P	0.0686056	0.0291315	-1.23574	1
PPP1R27	0.183288	0.243752	0.411308	1
YBX2	0.0724492	0.0104122	-2.79869	1
CXorf58	0.0451519	0.0119276	-1.92048	1
PTGER2	0.0672184	0.00928727	-2.85553	1
C7orf57	0.0368847	0.0236581	-0.640691	1
CCDC144B	0.0061784	0.0014832	-2.05852	1
CNNM1	0.0137801	0.00411221	-1.7446	1
CFL1P1	0.0328756	0.0291428	-0.173874	1
GDAP1L1	0.0320776	0	#NAME?	1
TP53AIP1	0.0839609	0.00423575	-4.30903	1
CRB2	0.0693268	0.0346954	-0.998668	1
APOA1	0.16116	0.137424	-0.229865	1
NHLH1	0.14438	0.159095	0.140019	1
ZNF890P	0.0639808	0.0411541	-0.636605	1
RLTPR	0.0335161	0.0476959	0.509012	1
SCUBE2	0.0225713	0.0139711	-0.692043	1
IL8	0.373558	0.638581	0.773536	0.234285
GPR179	0.0114817	0.0051444	-1.15827	1
KRTAP3-2	0.195305	0.0594512	-1.71595	1
DNAL1	0.037266	0.0285074	-0.386524	1
SLC46A2	0.0621934	0.00947596	-2.71442	1
ACR	0.120647	0.0371318	-1.70006	1
LOC100128164	0.018857	0.00505184	-1.90022	1
IL12RB2	0.0302251	0.0165495	-0.86896	1
RAB44	0.0432354	0.0146346	-1.56283	1
ROBO4	0.154435	0.014617	-3.40128	1
SPACA4	0.283133	0.131944	-1.10155	1
LOC100506895	0.0513273	0.00575189	-3.15762	1
NRN1L	0.660143	0.665894	0.0125143	0.997082
SSC5D	0.0476913	0.00677896	-2.81459	1
DIRAS1	0.0846426	0.0615859	-0.458784	1
RNU12	1.83511	0.614388	-1.57864	0.870173
SNORD47	433.509	618.965	0.513796	0.980663
SNORD55	340.835	98.3399	-1.79322	0.871957
SNORD36A	201.26	391.464	0.959815	0.947008
MIR4442	579.061	0	#NAME?	0.363804
SNORD60	74.0416	314.601	2.08712	0.738415
SNORD104	89.7563	105.445	0.232411	0.977332
SNORA79	37.3936	1.32474	-4.81901	0.668261
SCARNA21	3.21514	0	#NAME?	0.501458
SCARNA23	4.85069	1.597	-1.60282	0.902309
SCARNA11	3.83053	0	#NAME?	0.539577
SNORD45A	69.7027	78.7762	0.176544	0.988154
MIR23B	44.6711	0	#NAME?	0.532616
SNORA1	2.02204	5.77021	1.51281	0.845726
SNORA71C	1.6281	8.04569	2.30503	0.849892
SNORA7B	1.50144	5.75142	1.93757	0.909016
VTRNA1-1	21.7197	35.5256	0.709857	0.944284
SNORD46	12.1732	17.4475	0.519316	0.967901
MIR3911	6.03159	8.18844	0.441049	0.979701
ESPN	0.0383756	0.048763	0.345598	1
PADI4	0.0225138	0	#NAME?	1
KLHDC7A	0.00694766	0.0022277	-1.64097	1
CDA	0.0209364	0	#NAME?	1
ALPL	0.00895567	0.0617363	2.78525	1
LDLRAD2	0.0162109	0.0117889	-0.459533	1
EPHA8	0.0294368	0	#NAME?	1
CATSPER4	0.0133201	0	#NAME?	1
ZBTB8B	0.00337844	0	#NAME?	1

TEKT2	0.0117916	0.010292	-0.196245	1
TMCO2	0.0226433	0	#NAME?	1
FOXE3	0.0443389	0.0750836	0.759926	1
C1orf177	0.00960438	0.0144528	0.589585	1
AK5	0.0080412	0	#NAME?	1
GIPC2	0.0128826	0.00850576	-0.598916	1
PRKACB	0.00725705	0.00168638	-2.10545	1
CLCA3P	0.00323969	0.00428242	0.402571	1
BRDT	0.00346142	0	#NAME?	1
LOC643355	0.0130805	0	#NAME?	1
HIST2H2AA3	0.070308	0.0461621	-0.60698	1
LCE5A	0.0260864	0	#NAME?	1
POU5F1P4	0.0180131	0.045515	1.3373	1
RXFP4	0.0675683	0	#NAME?	1
RAB25	0.093195	0.0539005	-0.789955	1
CD1D	0.0112967	0	#NAME?	1
KCNJ9	0.0114145	0.00467749	-1.28706	1
ATP1A2	0.00279099	0	#NAME?	1
LOC440700	0.0134545	0	#NAME?	1
RCSB1	0.0144741	0.00301283	-2.26428	1
XCL1	0.0098268	0	#NAME?	1
C1orf105	0.014688	0.0124026	-0.244003	1
LAX1	0.00409282	0.00290907	-0.492534	1
CNTN2	0.00220054	0.00806165	1.87321	1
LINC00538	0.00719316	0	#NAME?	1
TGFB2	0.00223515	0.00778622	1.80055	1
LOC339529	0.00751671	0	#NAME?	1
TTC34	0.0165221	0.0107416	-0.621194	1
C1orf127	0.006753	0	#NAME?	1
HTR1D	0.00579526	0.00351492	-0.721381	1
LAPTM5	0.0211747	0.00441681	-2.26127	1
COL16A1	0.0134229	0	#NAME?	1
GUCA2A	0.08321	0	#NAME?	1
LDLRAD1	0.00663332	0.00474756	-0.482545	1
LINC00466	0.00803568	0.0047808	-0.749168	1
C1orf141	0.00540094	0	#NAME?	1
PTPN22	0.00991466	0.0050617	-0.969942	1
SYT6	0.00318629	0	#NAME?	1
VTCN1	0.00549264	0	#NAME?	1
LINGO4	0.00817835	0	#NAME?	1
NUP210L	0.0139763	0.013224	-0.0798263	1
KCNN3	0.00206077	0.00070243	-1.55275	1
VHLL	0.0963413	0.0407688	-1.24069	1
INSRR	0.0052433	0	#NAME?	1
SPTA1	0.00159044	0	#NAME?	1
IGSF9	0.0110537	0.00354397	-1.64109	1
CD84	0.00157531	0.000935374	-0.752025	1
ADAMTS4	0.0135077	0.00983793	-0.45736	1
MPZ	0.0186702	0	#NAME?	1
C1orf111	0.0181258	0.0123216	-0.556855	1
RXRG	0.00962588	0	#NAME?	1
ADCY10	0.00700015	0.00302987	-1.20813	1
F5	0.00121189	0	#NAME?	1
SEC16B	0.0036348	0.00231981	-0.64787	1
NPHS2	0.00915459	0.00648542	-0.497295	1
POBEC4	0.00480352	0	#NAME?	1
FAM129A	0.00384592	0.00115351	-1.7373	1
LOC401980	0.0154882	0.0367019	1.24468	1
MYOG	0.0141391	0	#NAME?	1
IL10	0.00895066	0	#NAME?	1
AGT	0.00683252	0	#NAME?	1
AKR1C3	0.0119711	0	#NAME?	1
CELF2	0.00169879	0.00425628	1.32508	1
TMEM236	0.00460894	0	#NAME?	1
ANXA8L2	0.00769919	0	#NAME?	1
C10orf71	0.00511029	0.00429779	-0.249809	1
SRGN	0.0123841	0	#NAME?	1
LINC00856	0.00589751	0.00475081	-0.311933	1
LINC00595	0.0225978	0.037266	0.721675	1
PLAC9	0.323361	0	#NAME?	1
SH2D4B	0.0203096	0	#NAME?	1
FFAR4	0.00402187	0	#NAME?	1
CYP2C9	0.00754715	0.0120419	0.674058	1
PLEKHS1	0.0071878	0.00303827	-1.2423	1
HMX2	0.0187333	0	#NAME?	1
TUBB8	0.0240276	0	#NAME?	1
SFMBT2	0.00178765	0.00253448	0.503629	1
ITIH5	0.00868765	0.00404437	-1.10305	1
EBLN1	0.0108112	0	#NAME?	1

ZNF33BP1	0.00868937	0.0120651	0.473517	1
RASGEF1A	0.00982508	0	#NAME?	1
TMEM72-AS1	0.00836542	0	#NAME?	1
RSU1P2	0.00751921	0	#NAME?	1
M1	0.046042	0.179033	1.9592	1
ANK3	0.00135644	0.00100631	-0.430752	1
NODAL	0.0156178	0.0108615	-0.52397	1
MAT1A	0.00462852	0	#NAME?	1
HPSE2	0.00364075	0	#NAME?	1
MMP21	0.00941064	0.0162196	0.785377	1
LOC650368	0.0261255	0.0083451	-1.64646	1
C11orf42	0.0382116	0.0436612	0.19234	1
KRT8P41	0.00902292	0	#NAME?	1
LDHAL6A	0.0207345	0.00888681	-1.22229	1
F2	0.0186194	0.0420491	1.17526	1
FAM180B	0.0132857	0.0466281	1.81133	1
P2RX3	0.0242415	0	#NAME?	1
MS4A10	0.00758644	0.00641404	-0.242189	1
TBC1D10C	0.0333157	0.0142393	-1.22632	1
SHANK2-AS1	0.00611555	0.0043988	-0.475371	1
SHANK2-AS3	0.0165355	0	#NAME?	1
FOLR1	0.0201971	0	#NAME?	1
PLEKHB1	0.0181203	0.0477857	1.39897	1
OMP	0.18147	0.0443978	-2.03117	1
TTC36	0.0530909	0	#NAME?	1
CXCR5	0.00674256	0.00576635	-0.225636	1
KCNJ5	0.00557763	0.00712916	0.35408	1
OR5111	0.0177625	0	#NAME?	1
UBQLNL	0.00602508	0	#NAME?	1
CYB5R2	0.0112411	0.0266225	1.24386	1
MRV11	0.002398	0	#NAME?	1
PLEKHA7	0.0034973	0.00448779	0.359765	1
MPPED2	0.00244299	0.00145086	-0.751737	1
DCDC1	0.00782286	0	#NAME?	1
ELF5	0.0186919	0.00384455	-2.28153	1
PAMR1	0.017313	0	#NAME?	1
C11orf94	0.102886	0.0864703	-0.250772	1
GPHA2	0.0289292	0.0208904	-0.469686	1
FLJ42102	0.00771291	0.0110205	0.514843	1
KCNE3	0.00420069	0.00563283	0.423236	1
LRR32	0.00425557	0	#NAME?	1
CCDC89	0.00564367	0.00790229	0.485637	1
TRPC6	0.00272091	0	#NAME?	1
MMP3	0.00708895	0.00568377	-0.318724	1
LOC643733	0.0293169	0.0572858	0.966443	1
CARD18	0.0240608	0	#NAME?	1
IL18	0.0131575	0.0251149	0.932654	1
LOC100131626	0.0316224	0	#NAME?	1
MCAM	0.0103733	0.00431415	-1.26573	1
TRIM29	0.0202897	0	#NAME?	1
MIR100HG	0.00374808	0.004897	0.385746	1
HEPACAM	0.0102579	0	#NAME?	1
KLRD1	0.0127366	0.00257962	-2.30375	1
H2AFJ	0.00789186	0	#NAME?	1
PTPRO	0.00307804	0	#NAME?	1
IAPP	0.00643476	0.00974964	0.599461	1
H1FNT	0.0195562	0	#NAME?	1
LINC00592	0.0174847	0.0236824	0.437725	1
AMHR2	0.012566	0	#NAME?	1
LOC100240734	0.0477698	0.0392192	-0.284537	1
DTX3	0.0311636	0	#NAME?	1
KCNMB4	0.00592593	0.00620619	0.0666676	1
SYT1	0.00245989	0.00171785	-0.517985	1
NTS	0.0204219	0	#NAME?	1
PLEKHG7	0.00679864	0	#NAME?	1
SLC17A8	0.00311784	0	#NAME?	1
STAB2	0.00468841	0.00211407	-1.14908	1
DTX1	0.0076292	0	#NAME?	1
MIR5188	4.06858	0	#NAME?	1
P2RX2	0.0410657	0.0381223	-0.107299	1
CACNA2D4	0.00303805	0.00431232	0.505319	1
FGF23	0.00516292	0.0076089	0.559501	1
ANO2	0.00399648	0.00685901	0.779271	1
CD163	0.00297733	0	#NAME?	1
KLRC4,KLRC4-KLRK1,KLR1	0.00838894	0	#NAME?	1
TAS2R9	0.0132626	0	#NAME?	1
C12orf36	0.00398284	0	#NAME?	1
LMO3	0.00354771	0	#NAME?	1
BCAT1	0.00116761	0	#NAME?	1

TMTC1	0.00273611	0	#NAME?	1
ABCD2	0.00219284	0	#NAME?	1
FAM186A	0.00179818	0	#NAME?	1
FIGNL2	0.00553778	0	#NAME?	1
KRT4	0.00738139	0.0224694	1.60599	1
HOXC-AS5	0.0141454	0.0121637	-0.217748	1
TESPA1	0.00346685	0	#NAME?	1
APOF	0.00809904	0	#NAME?	1
TAC3	0.0291619	0	#NAME?	1
LUM	0.00600691	0	#NAME?	1
TRPV4	0.00783408	0.0119788	0.612652	1
MYL2	0.0692254	0.0443679	-0.641786	1
SDS	0.0129994	0.0751879	2.53206	1
NOS1	0.00274003	0	#NAME?	1
HPD	0.0217964	0	#NAME?	1
GPC6	0.00352001	0	#NAME?	1
ANKRD20A19P	0.00666741	0.00234322	-1.50864	1
SHISA2	0.0111324	0	#NAME?	1
LINC00571	0.0751173	0	#NAME?	1
LINC00598	0.00800791	0.00552122	-0.536439	1
LINC00330	0.013131	0.00395675	-1.73059	1
KCTD4	0.00604178	0	#NAME?	1
LINC00563	0.0194366	0	#NAME?	1
RNASEH2B-AS1	0.0542035	0.0541649	-0.00102691	1
LECT1	0.0103024	0.0139277	0.434967	1
NYNRIN	0.00220427	0	#NAME?	1
GNG2	0.00316988	0	#NAME?	1
HSPA2	0.0231731	0.0115784	-1.00102	1
VSX2	0.013718	0	#NAME?	1
SLC24A4	0.00307556	0.00126595	-1.28063	1
LINC00521	0.00903555	0	#NAME?	1
SNORA28	2.23269	0	#NAME?	1
TDRD9	0.00266132	0.00168555	-0.658921	1
SLC7A8	0.00776404	0	#NAME?	1
SLC22A17	0.0139171	0	#NAME?	1
ADCY4	0.00595327	0	#NAME?	1
RIPK3	0.00924164	0	#NAME?	1
NOVA1	0.0143923	0	#NAME?	1
MDGA2	0.00209848	0	#NAME?	1
FRMD6-AS2	0.0289968	0	#NAME?	1
SLC35F4	0.00836123	0	#NAME?	1
PROX2	0.0249137	0.0126424	-0.978663	1
NGB	0.0129625	0	#NAME?	1
STON2	0.0119869	0.0024809	-2.27253	1
LINC00341	0.00505206	0	#NAME?	1
SYNE3	0.00621649	0	#NAME?	1
NPAP1	0.00174777	0.00481661	1.46251	1
SNRPN,SNURF	0.0399061	0	#NAME?	1
IPW	0.00273621	0	#NAME?	1
HERC2P10	0.115171	0.0486233	-1.24406	1
HMG2P46	0.0348424	0.014644	-1.25053	1
FGF7	0.00577155	0.00170125	-1.76236	1
DCAF13P3	0.00413776	0.0237004	2.51799	1
LDHAL6B	0.0150315	0	#NAME?	1
GCNT3	0.00572381	0.00363578	-0.654712	1
KBTBD13	0.026398	0	#NAME?	1
ISLR2	0.00792309	0	#NAME?	1
ODF3L1	0.0187162	0.0563446	1.58999	1
GOLGA6L9	0.00279476	0	#NAME?	1
EFTUD1P1	0.0262692	0	#NAME?	1
NBEAP1	0.0444834	0.0681124	0.614649	1
GOLGA6L7P	0.013521	0	#NAME?	1
GPR176	0.00397307	0	#NAME?	1
PPP1R14D	0.0286826	0	#NAME?	1
DUOX2	0.00831873	0	#NAME?	1
BCL2L10	0.185191	0.0501882	-1.8836	1
CILP	0.0133628	0.00271899	-2.29708	1
SNORD16	15.2684	9.5636	-0.674922	1
LARP6	0.00814046	0	#NAME?	1
CT62	0.00836342	0	#NAME?	1
GRAMD2	0.00446182	0	#NAME?	1
HCN4	0.00306582	0	#NAME?	1
LOC283731	0.00791372	0.0117893	0.575049	1
STRA6	0.0161074	0	#NAME?	1
LINGO1	0.00866714	0	#NAME?	1
LOC283688	0.00450866	0	#NAME?	1
HDGFRP3	0.00600469	0	#NAME?	1
NTRK3	0.00750041	0	#NAME?	1
GABARAPL3	0.00735136	0.00521035	-0.49663	1

CERS3	0.0426661	0.00975209	-2.12931	1
RNF151	0.0391945	0.187319	2.25677	1
PRSS21	0.0192708	0	#NAME?	1
OR1F2P	0.0196659	0	#NAME?	1
MPV17L	0.00779468	0.00533017	-0.548308	1
SYT17	0.0214814	0	#NAME?	1
VWA3A	0.00335411	0	#NAME?	1
IL21R	0.00354183	0.0025574	-0.469817	1
ITGAL	0.0033383	0	#NAME?	1
AHSP	0.0384998	0.0331773	-0.214655	1
IRX6	0.0311133	0.00659763	-2.23751	1
MT1H	0.183615	0.056443	-1.70182	1
CETP	0.0210295	0.00889724	-1.24099	1
IL17C	0.025865	0.0218463	-0.243613	1
LOC400558	0.0187436	0.0553121	1.5612	1
SSTR5-AS1	0.00796032	0	#NAME?	1
PTX4	0.0413242	0.0350597	-0.237174	1
MEIOB	0.0071322	0.00850026	0.253161	1
SEPT12	0.0269143	0	#NAME?	1
ERN2	0.0110955	0.0153475	0.46803	1
SULT1A2	0.0670992	0.0399383	-0.748523	1
CSDAP1	0.020526	0	#NAME?	1
ZNF423	0.00420647	0	#NAME?	1
DPEP2	0.0109142	0.00937706	-0.218999	1
PABPN1L	0.0887293	0.0763185	-0.217377	1
LOC100506388	0.0198382	0	#NAME?	1
SMTNL2	0.0114323	0	#NAME?	1
ALOX15B	0.007452	0.0128414	0.785098	1
MEIS3P1	0.00962548	0	#NAME?	1
PPP1R1B	0.0122619	0	#NAME?	1
CD300LG	0.00693752	0	#NAME?	1
ABI3	0.0193269	0	#NAME?	1
MYCBPAP	0.00953614	0	#NAME?	1
MSX2P1	0.0148734	0	#NAME?	1
EPX	0.00746696	0.00481277	-0.633653	1
BZRAP1-AS1	0.0388312	0.0486983	0.326655	1
C17orf64	0.0205776	0	#NAME?	1
TBX4	0.00660668	0	#NAME?	1
MILR1	0.0591841	0.03997	-0.566292	1
MAP2K6	0.00733008	0	#NAME?	1
DNAI2	0.00797417	0	#NAME?	1
OTOP2	0.0105066	0	#NAME?	1
OTOP3	0.00940891	0	#NAME?	1
AATK-AS1	0.0278323	0	#NAME?	1
TRPV3	0.00245595	0	#NAME?	1
SLC52A1	0.00897596	0.0164822	0.876768	1
PIK3R5	0.0205751	0.0025729	-2.99943	1
RCVRN	0.0172827	0	#NAME?	1
MAGOH2	0.0242549	0	#NAME?	1
LINC00675	0.0109772	0.00748586	-0.552265	1
KRT16P2	0.0115185	0.0297122	1.3671	1
SMCR5	0.0057392	0.00463383	-0.308644	1
NOS2	0.00389783	0	#NAME?	1
OMG	0.0126308	0.00411103	-1.61938	1
TBC1D3C	0.0356114	0.0305953	-0.219031	1
TBC1D3G	0.00880751	0	#NAME?	1
STAC2	0.00571981	0.00692885	0.276649	1
NEUROD2	0.00994793	0	#NAME?	1
KRTAP4-11	0.0189686	0	#NAME?	1
HCRT	0.101454	0	#NAME?	1
SOST	0.00849081	0	#NAME?	1
MARCH10	0.00449487	0	#NAME?	1
PECAM1	0.00337281	0.00240781	-0.486227	1
ABCA6	0.0022234	0.00294711	0.406536	1
SDK2	0.00169954	0	#NAME?	1
LOC100507410	0.0186322	0.0134882	-0.466105	1
GREB1L	0.0064879	0.0064573	-0.0068216	1
AQP4-AS1	0.00572014	0.00837394	0.549858	1
ST8SIA3	0.0011423	0	#NAME?	1
ZNF532	0.00203098	0	#NAME?	1
DOK6	0.00130352	0	#NAME?	1
C18orf42	0.00540394	0	#NAME?	1
MC2R	0.00966173	0.00427455	-1.17651	1
AQP4	0.00214468	0	#NAME?	1
ZNF396	0.00430899	0	#NAME?	1
TCF4	0.00338742	0	#NAME?	1
CCBE1	0.00646288	0.00612444	-0.077599	1
CREB3L3	0.013054	0	#NAME?	1
FSD1	0.023274	0.00751604	-1.63068	1

EMR1	0.0114631	0	#NAME?	1
CLEC4GP1	0.0109051	0.00951333	-0.196982	1
CERS4	0.0117792	0	#NAME?	1
TDRD12	0.0154176	0.00636074	-1.27731	1
CD22	0.0120203	0.0031897	-1.91398	1
NCCRP1	0.0109815	0	#NAME?	1
LOC100505622	0.0325279	0	#NAME?	1
IRGC	0.0198263	0.0141341	-0.488235	1
FOXA3	0.00999393	0.0143521	0.522142	1
SNORD23	6.24622	3.82745	-0.7066	1
ERVV-2	0.00581559	0	#NAME?	1
FCAR	0.0322264	0.00975217	-1.72445	1
TMEM190	0.151419	0.153268	0.0175063	1
ZNF542	0.00354676	0	#NAME?	1
ZNF304	0.00555101	0.00184518	-1.58898	1
LOC100128398	0.00736207	0	#NAME?	1
LPPR3	0.0196561	0	#NAME?	1
RAX2	0.0255747	0	#NAME?	1
FUT6	0.0135287	0.00480824	-1.49244	1
FBN3	0.00228436	0	#NAME?	1
MUC16	0.000296411	0.000234797	-0.336184	1
PTGER1	0.0423285	0.0378107	-0.162836	1
EMR2	0.0073656	0	#NAME?	1
CIB3	0.029469	0	#NAME?	1
IL12RB1	0.00984471	0	#NAME?	1
HAPLN4	0.00677775	0.00977424	0.528177	1
TM6SF2	0.014751	0	#NAME?	1
ZNF626	0.00186896	0.00143293	-0.383276	1
SCGB2B2	0.0593846	0.0508763	-0.223095	1
FAM187B	0.0365709	0.0112262	-1.70382	1
RASGRP4	0.0152733	0.0182024	0.25312	1
CEACAM1	0.0164289	0.0096866	-0.762178	1
CEACAM8	0.0178914	0.00754812	-1.24508	1
PSG3	0.00711283	0	#NAME?	1
PSG1	0.00577078	0	#NAME?	1
PSG2	0.00856193	0	#NAME?	1
PSG4	0.00672918	0.00566587	-0.248133	1
CEACAM20	0.0112929	0	#NAME?	1
PTGIR	0.0126401	0	#NAME?	1
KCNA7	0.00399132	0.0108255	1.43949	1
PTH2	0.215637	0	#NAME?	1
KCNC3	0.0108884	0.00682393	-0.674118	1
KLK4	0.0162701	0.04437	1.44736	1
KLK8	0.0174345	0	#NAME?	1
SIGLEC14	0.025649	0.0231019	-0.150889	1
HAS1	0.0318053	0.023593	-0.430907	1
ZNF677	0.00299206	0	#NAME?	1
VSTM1	0.017768	0.0113421	-0.647589	1
LILRA5	0.0141457	0.00969122	-0.545609	1
SYT5	0.0137847	0.00894845	-0.623357	1
TMEM150B	0.0600036	0	#NAME?	1
SBK2	0.0405134	0	#NAME?	1
ZSCAN5B	0.0196145	0.0353126	0.848264	1
ZNF667	0.0125816	0.00245553	-2.35721	1
C19orf18	0.0168862	0.0120137	-0.491168	1
SNTG2	0.0290831	0.00604015	-2.26752	1
RSAD2	0.0103922	0.00427824	-1.28042	1
LOC100506274	0.0298338	0	#NAME?	1
MFSD2B	0.0154459	0.00988062	-0.644551	1
ABHD1	0.0541429	0.0201871	-1.42334	1
TRIM54	0.0113148	0	#NAME?	1
FAM179A	0.00611036	0.0122254	1.00056	1
QPCT	0.0085025	0	#NAME?	1
SLC3A1	0.00577858	0	#NAME?	1
EPCAM	0.0079234	0	#NAME?	1
PLEK	0.00897691	0	#NAME?	1
C2orf78	0.00898769	0	#NAME?	1
ANAPC1P1	0.0147225	0.00450649	-1.70795	1
PLGLB2	0.00833652	0.0033001	-1.33694	1
IL1RL1	0.0050236	0	#NAME?	1
IL18RAP	0.00473082	0	#NAME?	1
SULT1C2	0.00422663	0.00854597	1.01574	1
SULT1C4	0.00739795	0	#NAME?	1
LIMS3L	0.0243257	0	#NAME?	1
FBLN7	0.0107088	0	#NAME?	1
GPR39	0.00681199	0.0186064	1.44965	1
LOC100507600	0.00635541	0.0044767	-0.505549	1
TBR1	0.0076897	0	#NAME?	1
LOC100506134	0.0456506	0	#NAME?	1

SATB2-AS1	0.00539458	0	#NAME?	1
CPO	0.0431527	0.0497088	0.20405	1
UNC80	0.000942125	0.000790818	-0.252572	1
TUBA4B	0.0126797	0.0498195	1.97419	1
FAM150B	0.0152403	0.0127966	-0.252127	1
PXDN	0.00259413	0.00165974	-0.644294	1
OSR1	0.0144321	0	#NAME?	1
OTOF	0.00430015	0	#NAME?	1
MYADML	0.0109676	0.0067651	-0.697061	1
LOC375196	0.0322597	0.0264591	-0.285971	1
C2orf61	0.0190967	0	#NAME?	1
FLJ16341	0.00942917	0	#NAME?	1
LOC339803	0.0111154	0	#NAME?	1
SNORA36C	2.05969	0	#NAME?	1
LOC442028	0.00478856	0.00409113	-0.227092	1
ADRA2B	0.00643747	0.00397452	-0.695713	1
LOC100499194	0.035997	0.00621674	-2.53365	1
EN1	0.0108844	0.00914664	-0.250949	1
SCTR	0.0112695	0	#NAME?	1
LOC440905	0.00257058	0	#NAME?	1
LYPD1	0.0769708	0	#NAME?	1
LOC100144595	0.00561205	0.00372317	-0.591996	1
FIGN	0.00281178	0	#NAME?	1
LRP2	0.000796498	0	#NAME?	1
LINC00607	0.00368004	0	#NAME?	1
EPHA4	0.00204176	0	#NAME?	1
KIF1A	0.00477494	0	#NAME?	1
C2orf54	0.00952431	0	#NAME?	1
TGM3	0.00603334	0	#NAME?	1
UBOX5-AS1	0.0184853	0.0251802	0.445908	1
SPTLC3	0.00329588	0	#NAME?	1
BANF2	0.0668634	0	#NAME?	1
PAX1	0.00646863	0	#NAME?	1
NNAT	0.0379721	0.176457	2.21631	1
SLC12A5	0.00316077	0.00202275	-0.643955	1
TSHZ2	0.00111207	0	#NAME?	1
C2orf195	0.0510469	0	#NAME?	1
CPXM1	0.00953919	0.0372861	1.9667	1
SIGLEC1	0.00877202	0.0037856	-1.21239	1
FLRT3	0.00292293	0	#NAME?	1
LINC00261	0.00249488	0	#NAME?	1
GGT7	0.0080827	0.00670075	-0.270513	1
FAM83C	0.00538001	0.0142361	1.40387	1
GDF5	0.0169006	0.00599822	-1.49447	1
MAFB	0.00674491	0	#NAME?	1
CTCFL	0.00869566	0	#NAME?	1
GNAS-AS1	0.0190052	0	#NAME?	1
HRH3	0.0110234	0	#NAME?	1
NKAIN4	0.015985	0	#NAME?	1
ABCC13	0.00436305	0	#NAME?	1
CHODL	0.00569133	0	#NAME?	1
DSCR6	0.0161714	0	#NAME?	1
ZNF295-AS1	0.0422672	0.0967767	1.19512	1
UMODL1	0.00361213	0	#NAME?	1
LINC00158	0.00830282	0.00655646	-0.340685	1
CYYR1	0.00431276	0	#NAME?	1
TIAM1	0.00889789	0	#NAME?	1
CBS	0.00922308	0.0057206	-0.689081	1
FTCD	0.0147073	0	#NAME?	1
SPATC1L	0.0594632	0.107175	0.849893	1
DGCR10	0.0179176	0.0260614	0.540537	1
HORMAD2	0.0064838	0	#NAME?	1
SLC5A1	0.00267296	0.00674699	1.3358	1
CYTH4	0.0115189	0.0287324	1.31868	1
APOBEC3H	0.0349889	0.0440539	0.332371	1
MCHR1	0.00820751	0	#NAME?	1
WBP2NL	0.0109649	0	#NAME?	1
FBLN1	0.0101987	0	#NAME?	1
FAM19A5	0.0180373	0	#NAME?	1
CCT8L2	0.00863862	0	#NAME?	1
TUBA3FP	0.00928849	0.0186707	1.00726	1
PIWIL3	0.00338636	0.00240647	-0.492818	1
PDGFB	0.00779687	0.0217817	1.48215	1
SNORD83A	26.0083	15.2733	-0.767957	1
MLC1	0.00565608	0	#NAME?	1
FBLN2	0.0051719	0.00834774	0.690691	1
FAM198A	0.00507798	0	#NAME?	1
TDGF1	0.00839084	0	#NAME?	1
NRADDP	0.112123	0.132239	0.23806	1

CCDC36	0.00962374	0.00616536	-0.642413	1
GPR62	0.0372207	0.0563365	0.597964	1
FAM19A1	0.00798193	0	#NAME?	1
TMEM30C	0.124495	0.0487816	-1.35168	1
CCDC54	0.00946501	0	#NAME?	1
CD200	0.00630211	0	#NAME?	1
BOC	0.00442814	0	#NAME?	1
UPK1B	0.00685304	0.00415863	-0.720635	1
ARGFX	0.00479774	0	#NAME?	1
CCDC37	0.0173131	0.0122436	-0.499831	1
ALG1L2	0.0212331	0.0581068	1.45239	1
EPHB1	0.00653489	0	#NAME?	1
LOC201651	0.00951955	0	#NAME?	1
C3orf55	0.017833	0	#NAME?	1
MLF1	0.0111392	0.00819007	-0.443696	1
FETUB	0.00972959	0	#NAME?	1
BHLHE40-AS1	0.0636293	0	#NAME?	1
CIDEC	0.0169337	0.0216962	0.357543	1
EPM2AIP1	0.00326988	0	#NAME?	1
XIRP1	0.00272732	0.0265506	3.28319	1
XCR1	0.0182247	0	#NAME?	1
IQCF5	0.158712	0	#NAME?	1
IQCF1	0.0576314	0.020222	-1.51093	1
PDZRN3	0.00454522	0.00328911	-0.466653	1
LOC440970	0.0014644	0.000911552	-0.683914	1
CD200R1	0.00507197	0.0063177	0.316852	1
ZNF80	0.00456014	0.00272594	-0.742324	1
IGSF11	0.012016	0	#NAME?	1
CD80	0.0043923	0.0035008	-0.327294	1
ALDH1L1	0.00674133	0	#NAME?	1
GATA2	0.0132024	0	#NAME?	1
FAM194A	0.00636942	0.00989347	0.635314	1
GPR87	0.0353768	0	#NAME?	1
FGF12	0.00208334	0	#NAME?	1
MUC4	0.00528056	0.00325116	-0.699737	1
C4orf6	0.0354236	0	#NAME?	1
S100P	0.0808772	0.0590814	-0.45303	1
DRD5	0.0101679	0	#NAME?	1
LOC285540	0.0128861	0.00760153	-0.761457	1
C4orf19	0.00335747	0.0065814	0.971019	1
NSUN7	0.00721128	0.00226967	-1.66777	1
GRXCR1	0.0155957	0	#NAME?	1
PDGFRA	0.00382646	0.00229022	-0.740525	1
STAP1	0.0221885	0.0401106	0.854171	1
SLC4A4	0.00150679	0.000936273	-0.68648	1
PTPN13	0.00565918	0	#NAME?	1
DMP1	0.00432636	0	#NAME?	1
NPNT	0.00284386	0.00190385	-0.57893	1
GUSBP5	0.0128813	0	#NAME?	1
FGB	0.00336686	0.00723605	1.1038	1
LRAT	0.00250412	0	#NAME?	1
TDO2	0.00706608	0	#NAME?	1
LOC344967	0.0141293	0.0087426	-0.692551	1
UGT2B17	0.00578023	0	#NAME?	1
IGJ	0.00893954	0.0265569	1.57081	1
SLC10A6	0.0200073	0.0191203	-0.0654175	1
DDIT4L	0.00457046	0	#NAME?	1
TTC29	0.00747422	0	#NAME?	1
ANXA2P1	0.0201487	0.0225481	0.162321	1
CLDN24	0.0259988	0	#NAME?	1
LOC731424	0.0040594	0.0114523	1.4963	1
SORBS2	0.00317025	0	#NAME?	1
CDH6	0.00133043	0	#NAME?	1
OSMR	0.00218104	0	#NAME?	1
C7	0.0100139	0.00445593	-1.1682	1
GHR	0.00268154	0.00167757	-0.676688	1
VCAN	0.00116465	0	#NAME?	1
GPR98	0.000600662	0.000761234	0.341788	1
C5orf27	0.00793687	0.0210423	1.40665	1
KCNN2	0.00930008	0	#NAME?	1
C5orf48	0.0450199	0.131514	1.54658	1
PCDHB17	0.0178512	0	#NAME?	1
LOC100505658	0.014205	0.00735848	-0.948916	1
MIR143,MIR143HG,MIR145	0.00318171	0.00337579	0.0854204	1
LOC285593	0.0082673	0.009815	0.247572	1
LOC100507387	0.0361621	0.0114338	-1.66118	1
ARL10	0.00705667	0.021437	1.60304	1
LOC729506	0.00831312	0	#NAME?	1
SEMA5A	0.00112733	0	#NAME?	1

LOC285696	0.00506332	0	#NAME?	1
SLC45A2	0.0100487	0	#NAME?	1
CDC20B	0.015377	0.0194172	0.336566	1
PLK2	0.0143035	0.0102704	-0.477869	1
ST8SIA4	0.00182495	0.00126521	-0.528474	1
NEUROG1	0.0184996	0	#NAME?	1
CXCL14	0.0100329	0	#NAME?	1
LOC389332	0.0457799	0	#NAME?	1
SPOCK1	0.00265919	0	#NAME?	1
ECSCR	0.0237978	0	#NAME?	1
GPR151	0.0128671	0.00820597	-0.648941	1
DPYSL3	0.00562135	0	#NAME?	1
JAKMIP2	0.00127383	0.000892548	-0.513168	1
ZNF300P1	0.00473096	0	#NAME?	1
TIMD4	0.0103313	0	#NAME?	1
HAVCR1	0.00930055	0	#NAME?	1
ADAM19	0.0025229	0.00457275	0.857981	1
KCNMB1	0.0242355	0	#NAME?	1
GMCL1P1	0.00436323	0	#NAME?	1
C5orf60	0.0160126	0.0355897	1.15226	1
RASGEF1C	0.0100821	0.00619316	-0.703041	1
FOXC1	0.00580494	0.00390864	-0.570614	1
BMP6	0.00508287	0.0107093	1.07514	1
TRIM40	0.0155126	0.00655535	-1.2427	1
DPCR1	0.00230805	0	#NAME?	1
HCP5	0.0475967	0.0708712	0.574339	1
LST1	0.0382188	0	#NAME?	1
LY6G6D	0.0687874	0.0890806	0.372967	1
C6orf25	0.0169273	0	#NAME?	1
PNPLA1	0.0122327	0.0117439	-0.058834	1
GUCA1A	0.0100042	0	#NAME?	1
CAPN11	0.00601276	0	#NAME?	1
GPR111	0.00247874	0.00194836	-0.347345	1
FAM83B	0.00358506	0	#NAME?	1
COL19A1	0.00136267	0	#NAME?	1
TSG1	0.00223125	0	#NAME?	1
PRDM13	0.00847128	0	#NAME?	1
HEY2	0.00573573	0	#NAME?	1
QKI	0.00126485	0	#NAME?	1
MYLK4	0.0047084	0.00162949	-1.53082	1
LINC00518	0.00395985	0.0079848	1.01181	1
HIST1H1A	0.0300641	0	#NAME?	1
HIST1H1T	0.0278054	0	#NAME?	1
HIST1H3I	0.0908536	0	#NAME?	1
OR2B3	0.0134762	0	#NAME?	1
LTB	0.0772017	0.139337	0.851871	1
HLA-DPA1	0.00820441	0.0104624	0.350744	1
GCM1	0.00539371	0.00428942	-0.330496	1
LGSN	0.00211615	0.00468056	1.14524	1
IMPG1	0.0039097	0.00260744	-0.584421	1
SRSF12	0.0171133	0.00788598	-1.11776	1
RRAGD	0.0024814	0	#NAME?	1
RAET1E	0.00649676	0.00411839	-0.657639	1
IPCEF1	0.00182313	0	#NAME?	1
CYP2W1	0.0137863	0.0101615	-0.440126	1
SDK1	0.00187215	0	#NAME?	1
RPL23P8	0.0674306	0.107278	0.669878	1
RPS2P32	0.0255034	0	#NAME?	1
BMPER	0.00541181	0	#NAME?	1
ABCA13	0.00141816	0.000433842	-1.70878	1
NCF1B	0.0165247	0.0115103	-0.521699	1
RUNDC3B	0.00311242	0.0068893	1.14632	1
PTPRZ1	0.00213173	0	#NAME?	1
LMOD2	0.01246	0	#NAME?	1
FSCN3	0.0372019	0	#NAME?	1
LOC407835	0.0154919	0.032508	1.06928	1
RAB19	0.0183563	0	#NAME?	1
CLCN1	0.00581415	0	#NAME?	1
OR2A20P,OR2A9P	0.0217904	0	#NAME?	1
CNTNAP2	0.00127457	0	#NAME?	1
DPP6	0.00374624	0.00306696	-0.288635	1
MEOX2	0.00631869	0	#NAME?	1
CRHR2	0.0134863	0.0149515	0.148802	1
LOC100130673	0.00899267	0.0113176	0.331742	1
DPY19L2P1	0.00448855	0	#NAME?	1
ELMO1	0.004096	0	#NAME?	1
EGFR-AS1	0.00559851	0.0037784	-0.567265	1
TRIM50	0.0125963	0.00814325	-0.629321	1
NCF1C	0.0557057	0.0649273	0.221	1

ST7-AS2	0.0321443	0	#NAME?	1
FAM180A	0.0093188	0.00589854	-0.659786	1
OR2A1	0.0250621	0	#NAME?	1
TMEM176B	0.016716	0	#NAME?	1
WDR86	0.0199923	0.0174769	-0.193997	1
CRYGN	0.0339209	0	#NAME?	1
ERICH1-AS1	0.0305459	0	#NAME?	1
FAM90A10P	0.043295	0	#NAME?	1
FAM66D	0.0194551	0	#NAME?	1
PIWIL2	0.00774507	0.0023993	-1.69067	1
ADAM28	0.00326256	0	#NAME?	1
UNC5D	0.00174551	0.00138048	-0.338477	1
TRIM55	0.0148152	0.010532	-0.492298	1
LINC00534	0.02177	0	#NAME?	1
NACAP1	0.0662752	0	#NAME?	1
GRHL2	0.00278665	0	#NAME?	1
ZFPM2	0.00867674	0	#NAME?	1
COL14A1	0.00184171	0	#NAME?	1
LINC00051	0.0142842	0.00848604	-0.751253	1
FAM203A	0.0113174	0.0137677	0.282746	1
SGCZ	0.00639423	0	#NAME?	1
MSR1	0.00762811	0	#NAME?	1
LZTS1	0.00787989	0	#NAME?	1
LG13	0.00741831	0	#NAME?	1
STMN4	0.0126192	0.0402272	1.67255	1
CHRNA2	0.00449459	0	#NAME?	1
C8orf86	0.0127167	0	#NAME?	1
RNF5P1	0.0183403	0.0116673	-0.652554	1
SFRP1	0.00359462	0	#NAME?	1
SNAI2	0.00686929	0	#NAME?	1
VLDLR	0.00385114	0	#NAME?	1
TEK	0.00263391	0.00208669	-0.335992	1
ANKRD18B	0.0030239	0.00775814	1.3593	1
RECK	0.00875124	0	#NAME?	1
FAM27A	0.0332326	0.020519	-0.695641	1
LOC100133920	0.0146676	0	#NAME?	1
FAM189A2	0.00853312	0	#NAME?	1
MAMDC2	0.00387338	0	#NAME?	1
BSPRY	0.00771471	0.00628927	-0.29472	1
LMX1B	0.00342945	0.0119038	1.79537	1
TTC16	0.0203249	0	#NAME?	1
PHYHD1	0.130134	0.0193743	-2.74778	1
LOC100128593	0.0090668	0	#NAME?	1
RNF224	0.0160931	0.0118183	-0.445417	1
FLJ35024	0.0218052	0.0130135	-0.744658	1
C9orf92	0.0589912	0	#NAME?	1
PTPLAD2	0.00893342	0.0448022	2.32628	1
LOC653501,ZNF658B	0.00260164	0	#NAME?	1
LOC100507244	0.00816117	0.0171721	1.07322	1
LOC392364	0.0190008	0.0152299	-0.319158	1
ASPN	0.00485708	0.00337029	-0.527215	1
PLCXD1	0.0108151	0.00793562	-0.446629	1
LOC100288814	0.0625937	0	#NAME?	1
GRPR	0.0210332	0.0222217	0.0793031	1
PTCHD1	0.00244327	0.00163092	-0.583125	1
MPC1L	0.144887	0.0619287	-1.22624	1
RGN	0.00952976	0.0172852	0.859024	1
GAGE12D,GAGE12F,GAGE	0.0381156	0	#NAME?	1
TRO	0.0174083	0.00679099	-1.35808	1
OTUD6A	0.0421655	0	#NAME?	1
TMEM35	0.0142116	0	#NAME?	1
TCEAL2	0.0112878	0.0162178	0.522812	1
SOWAHD	0.1029	0.0600073	-0.778036	1
AKAP14	0.0817343	0	#NAME?	1
FMR1NB	0.0350116	0.023888	-0.551544	1
MAGEA4	0.00947064	0.00575079	-0.719703	1
DUSP9	0.0126009	0	#NAME?	1
AVPR2	0.0283831	0	#NAME?	1
ACE2	0.00309275	0.00260051	-0.250096	1
PCYT1B	0.0026506	0.00157905	-0.747266	1
SSX5	0.0112365	0	#NAME?	1
SHROOM4	0.0025742	0	#NAME?	1
WNK3	0.00196467	0.00130231	-0.59322	1
ITIH6	0.00575239	0	#NAME?	1
UQCRBP1	0.031518	0.0219652	-0.520955	1
TEX11	0.00378203	0	#NAME?	1
INGX	0.0738012	0.0234334	-1.65508	1
CXCR3	0.036606	0	#NAME?	1
POF1B	0.00262688	0	#NAME?	1

TCEAL5	0.0114823	0.00738575	-0.636594	1
COL4A6	0.00217867	0.00187229	-0.218643	1
CHRD1	0.00331594	0	#NAME?	1
SMARCA1	0.00296569	0	#NAME?	1
FGF13	0.0248987	0.00422934	-2.55757	1
FAM223B	0.108164	0.193008	0.835448	1
RAB39B	0.00359079	0.00517726	0.527887	1
F8A1	0.0207657	0	#NAME?	1
PLCXD1	0.0108151	0	#NAME?	1
UTY	0.0019891	0	#NAME?	1
MIR181D	0	0	0	1
SNORD21	0	0	0	1
SNORD58C	0	31.1713 inf		1
SNORD15A	0	4.90218 inf		0.0732879
MIR29C	0	0	0	1
MIR320A	0	0	0	1
SNORD95	0	0	0	1
SNORD35A	0	0	0	1
SNORD50A	0	0	0	1
SNORA50	0	2.31404 inf		0.509535
MIR590	0	0	0	1
MIR5047	0	29.5443 inf		0.509077
SNORA5C	0	0	0	1
SCARNA3	0	0.704306 inf		1
SNORA46	0	0	0	1
SNORD29	0	0	0	1
SNORA5B	0	0	0	1
SNORD110	0	110.303 inf		1
SNORA22	0	0.931133 inf		1
MIR637	0	0	0	1
MIR762	0	118.416 inf		0.539391
SNORA36A	0	7.90738 inf		0.433505
SNORA44	0	5.85958 inf		0.479126
SNORA5A	0	2.24765 inf		0.545483
LOC100132062,LOC100133	0	0	0	1
RBP7	0	0	0	1
MDS2	0	0	0	1
CD52	0	0.0278946 inf		1
GJB5	0	0	0	1
GJB3	0	0.00923746 inf		1
GPX7	0	0.00844504 inf		1
TMEM61	0	0.0227529 inf		1
PCSK9	0	0	0	1
FOXD3	0	0	0	1
CLCA2	0	0.00172485 inf		1
SRG7	0	0	0	1
GPR61	0	0.00814916 inf		1
HSD3B2	0	0	0	1
HFE2	0	0	0	1
PRR9	0	0.00963986 inf		1
NPR1	0	0	0	1
LENEP	0	0.0883695 inf		1
DCST1	0	0.00796652 inf		1
HAPLN2	0	0.031049 inf		1
SUMO1P3	0	0.0206104 inf		1
FCGR2C	0	0.00384738 inf		1
HSPA7	0	0.005903 inf		1
FCGR2B	0	0	0	1
FCRLA	0	0.0251153 inf		1
MAEL	0	0.010739 inf		1
FAM163A	0	0.00898619 inf		1
PTPRC	0	0	0	1
PKP1	0	0	0	1
IL19	0	0	0	1
LOC148696	0	0.0266174 inf		1
FAM71A	0	0.00492257 inf		1
FAM177B	0	0	0	1
C1orf95	0	0	0	1
SLC35F3	0	0	0	1
LOC100506810	0	0.0022645 inf		1
KMO	0	0	0	1
SDCCAG8	0	0.00285458 inf		1
ANKRD65	0	0.0249322 inf		1
TMEM240	0	0.118812 inf		1
MYOM3	0	0	0	1
FCN3	0	0.0176557 inf		1
COL8A2	0	0.00594658 inf		1
HEYL	0	0	0	1
RPS15AP10	0	0.0720955 inf		1

PTGER3	0	0.00105192	inf	1
C1orf180	0	0.00379199	inf	1
LPAR3	0	0	0	1
DPYD	0	0.00428127	inf	1
C1orf194	0	0	0	1
LRIF1	0	0.0165813	inf	1
ADORA3	0	0	0	1
GJA5	0	0	0	1
RORC	0	0	0	1
KCNJ10	0	0.0015114	inf	1
RPL31P11	0	0.00561581	inf	1
C1orf114	0	0.0349152	inf	1
TEDDM1	0	0.00753389	inf	1
PDC	0	0	0	1
B3GALT2	0	0	0	1
GOLT1A	0	0.0158292	inf	1
LRRN2	0	0.0148388	inf	1
LOC284578	0	0	0	1
KCNH1	0	0.00397479	inf	1
RD3	0	0	0	1
MRC1	0	0	0	1
GJD4	0	0.0135255	inf	1
RET	0	0	0	1
FXD4	0	0	0	1
CTSL1P2	0	0.0115628	inf	1
WDFY4	0	0.00237141	inf	1
FAM133CP	0	0	0	1
ZNF365	0	0	0	1
DYDC2	0	0	0	1
SNCG	0	0	0	1
WNT8B	0	0.00893608	inf	1
ADRA2A	0	0	0	1
PNLIPRP2	0	0	0	1
C10orf91	0	0	0	1
SYNPO2L	0	0	0	1
DUSP13	0	0	0	1
GRID1	0	0	0	1
BLNK	0	0.0067269	inf	1
CPN1	0	0.00746742	inf	1
NRAP	0	0.00313038	inf	1
AFAP1L2	0	0	0	1
GFRA1	0	0	0	1
CPXM2	0	0.00776691	inf	1
TCERG1L	0	0	0	1
KCNQ1DN	0	0	0	1
TRPC2	0	0	0	1
OR5211	0	0	0	1
OR56B4	0	0.0122709	inf	1
OLFML1	0	0.0209447	inf	1
C11orf96	0	0.0362156	inf	1
CREB3L1	0	0.0108841	inf	1
SMTNL1	0	0.0128022	inf	1
SLC22A11	0	0	0	1
MIR612	0	0	0	1
SNX32	0	0.00778015	inf	1
LOC100129216	0	0	0	1
FOLR3	0	0.055441	inf	1
P2RY6	0	0	0	1
C11orf70	0	0	0	1
GRIA4	0	0.00175765	inf	1
POU2F3	0	0.00387143	inf	1
BARX2	0	0	0	1
NTM	0	0	0	1
SCT	0	0.0550082	inf	1
TRPM5	0	0	0	1
OR2AG2	0	0	0	1
OR6A2	0	0	0	1
OR2D2	0	0	0	1
STK33	0	0.00337422	inf	1
ALX4	0	0.00885169	inf	1
LOC100130348	0	0	0	1
MAP6	0	0.00533853	inf	1
NOX4	0	0.00196526	inf	1
VSTM5	0	0	0	1
ANGPTL5	0	0	0	1
CARD16	0	0	0	1
C11orf34	0	0.00581799	inf	1
AMICA1	0	0.00561648	inf	1
THY1	0	0.0169804	inf	1

CLMP	0	0	0	1
CACNA1C	0	0.00097089 inf		1
CLEC4D	0	0.0099297 inf		1
A2ML1	0	0	0	1
BCL2L14	0	0	0	1
SLCO1C1	0	0	0	1
TSPAN11	0	0.00501317 inf		1
DENND5B-AS1	0	0.0536086 inf		1
OR8S1	0	0	0	1
LOC255411	0	0.0230308 inf		1
SCN8A	0	0	0	1
ACVRL1	0	0.00270843 inf		1
IRAK3	0	0.00119951 inf		1
CUX2	0	0.00186838 inf		1
SRRM4	0	0.00303211 inf		1
LRRC43	0	0.0208084 inf		1
LOC100507091	0	0.00594146 inf		1
LOC100507206	0	0.00900575 inf		1
GLT1D1	0	0	0	1
LOC100130238	0	0	0	1
LPAR5	0	0	0	1
A2M	0	0.00412654 inf		1
KLRC2	0	0.0148595 inf		1
TAS2R10	0	0	0	1
TAS2R31	0	0.0436828 inf		1
TAS2R46	0	0	0	1
TAS2R43	0	0	0	1
GYS2	0	0.00488276 inf		1
C12orf71	0	0.0148805 inf		1
PTHLH	0	0	0	1
LALBA	0	0	0	1
SNORA2A	0	1.96398 inf		1
WNT10B	0	0.00762142 inf		1
FAIM2	0	0	0	1
DCD	0	0.102009 inf		1
LOC100130075	0	0.0296446 inf		1
LRRC10	0	0.00495634 inf		1
C12orf50	0	0.00479592 inf		1
SVOP	0	0	0	1
GALNT9	0	0	0	1
WASF3	0	0	0	1
FREM2	0	0	0	1
TPTE2P3	0	0	0	1
GPC5	0	0	0	1
MYO16	0	0.00151801 inf		1
TPTE2	0	0	0	1
FLT1	0	0.00331133 inf		1
LINC00426	0	0	0	1
ZAR1L	0	0.0295748 inf		1
ENOX1	0	0	0	1
SIAH3	0	0	0	1
DLEU7	0	0	0	1
COL4A1	0	0	0	1
RNASE3	0	0	0	1
ECRP	0	0	0	1
COCH	0	0.00329219 inf		1
NPAS3	0	0	0	1
RPL13AP3	0	0.0632347 inf		1
PRKCH	0	0.00535715 inf		1
LINC00238	0	0	0	1
ACTN1-AS1	0	0	0	1
GALNT16	0	0.00512422 inf		1
SMOC1	0	0	0	1
C14orf178	0	0.0214161 inf		1
LOC283587	0	0	0	1
SNORA11B	0	0	0	1
LINC00637	0	0	0	1
OR11H2	0	0	0	1
RNASE11,RNASE12	0	0	0	1
NDRG2	0	0.00475993 inf		1
LOC100506071	0	0.00420555 inf		1
PTCSC3	0	0.00821084 inf		1
SLC10A1	0	0.0136115 inf		1
ADAM21P1	0	0.00360561 inf		1
DIO2	0	0.00154512 inf		1
SERPINA10	0	0.0212391 inf		1
GPR132	0	0.0128068 inf		1
PAR5	0	0	0	1
DKFZP434L187	0	0	0	1

C2CD4A	0	0	0	1
LOC729739	0	0	0	1
ISL2	0	0	0	1
C15orf26	0	0.00586121	inf	1
LOC100506874	0	0	0	1
SLC28A1	0	0.00869394	inf	1
ASB9P1	0	0.00715413	inf	1
OCA2	0	0.00334511	inf	1
CSNK1A1P1	0	0	0	1
ANKRD63	0	0.16411	inf	1
PLA2G4D	0	0.00326391	inf	1
HDC	0	0.0073657	inf	1
TNFAIP8L3	0	0.00445306	inf	1
ONECUT1	0	0	0	1
IGDCC3	0	0.00299668	inf	1
LOC338963	0	0	0	1
PGPEP1L	0	0.0166948	inf	1
C16orf11	0	0.0225656	inf	1
SSTR5	0	0.0103427	inf	1
LOC440335	0	0	0	1
ITGAD	0	0	0	1
FLJ26245, RNA5SP411	0	0	0	1
CDH5	0	0	0	1
HP	0	0.0162202	inf	1
C1QTNF8	0	0	0	1
PRSS33	0	0	0	1
PRSS30P	0	0.00472901	inf	1
MEFV	0	0.0155129	inf	1
C16orf89	0	0.00795284	inf	1
PLA2G10	0	0.0445383	inf	1
DNAH3	0	0.0036974	inf	1
PDZD9	0	0.0215051	inf	1
LOC283867	0	0	0	1
KCTD19	0	0	0	1
FENRR	0	0	0	1
LOC339166	0	0	0	1
XAF1	0	0.00464503	inf	1
EFNB3	0	0.0356446	inf	1
DNAH9	0	0	0	1
FAM106CP	0	0	0	1
LOC100287072	0	0.00345822	inf	1
KCNJ12, KCNJ18	0	0	0	1
DPRXP4	0	0.0787256	inf	1
SPACA3	0	0	0	1
UNC45B	0	0	0	1
C17orf78	0	0	0	1
AOC4	0	0.0273715	inf	1
G6PC	0	0	0	1
MYL4	0	0.236326	inf	1
NXPH3	0	0	0	1
SMIM6	0	0	0	1
ZACN	0	0.0589756	inf	1
ATP2A3	0	0	0	1
AIPL1	0	0.00513708	inf	1
SLC13A5	0	0	0	1
TEKT1	0	0	0	1
KRBA2	0	0.00393453	inf	1
CCDC42	0	0	0	1
GAS7	0	0.00279544	inf	1
MYH1	0	0	0	1
EVI2A	0	0.0111047	inf	1
ARGFXP2	0	0.00823833	inf	1
SLFN13	0	0	0	1
KRTAP2-1	0	0.0395547	inf	1
KRTAP2-4	0	0.0458928	inf	1
LINC00671	0	0.0123747	inf	1
MEOX1	0	0.00451595	inf	1
PPY	0	0	0	1
ITGA2B	0	0	0	1
GFAP	0	0.00860077	inf	1
SPATA32	0	0.0349	inf	1
RPRML	0	0.187008	inf	1
PRR15L	0	0.0356696	inf	1
HSF5	0	0.00225751	inf	1
SCARNA20	0	1.53294	inf	1
NACA2	0	0	0	1
CD300E	0	0	0	1
FLJ45079	0	0	0	1
ZNF750	0	0.0505801	inf	1

EMILIN2	0	0	0	1
SLC14A2	0	0.00312028	inf	1
RAB27B	0	0	0	1
LINC00470	0	0.0103082	inf	1
LINC-ROR	0	0	0	1
ALPK2	0	0	0	1
CD226	0	0.00843846	inf	1
MADCAM1	0	0.0275659	inf	1
AZU1	0	0	0	1
PRTN3	0	0	0	1
ELANE	0	0	0	1
MIR7-3HG	0	0	0	1
CLEC4M	0	0	0	1
C19orf80	0	0.0220138	inf	1
RLN3	0	0	0	1
CLEC17A	0	0	0	1
SYDE1	0	0.0240131	inf	1
CYP4F3	0	0.00305318	inf	1
ZNF492	0	0.00160572	inf	1
FXYP3	0	0	0	1
HAMP	0	0.055368	inf	1
OVOL3	0	0.0758515	inf	1
LOC100129935	0	0	0	1
CYP2F1	0	0.0571478	inf	1
DACT3-AS1	0	0.0651459	inf	1
LILRB1	0	0.00980548	inf	1
ZIK1	0	0	0	1
CSNK1G2-AS1	0	0.0318645	inf	1
LINGO3	0	0	0	1
PTPRS	0	0	0	1
LYL1	0	0.0123051	inf	1
CYP4F2	0	0.00493934	inf	1
CALR3	0	0.0224463	inf	1
LRRC25	0	0.0374361	inf	1
ZNF682	0	0	0	1
ZNF208	0	0.00226721	inf	1
ZNF99	0	0.00189414	inf	1
HAVCR1P1	0	0.0222744	inf	1
UPK1A-AS1	0	0.0479249	inf	1
COX7A1	0	0.0372824	inf	1
ZFP82	0	0	0	1
WDR87	0	0.00101501	inf	1
PSG9	0	0.0054504	inf	1
EXOC3L2	0	0.010156	inf	1
CKM	0	0.0431373	inf	1
PNMAL1	0	0	0	1
CGB	0	0.046732	inf	1
ASPDH	0	0	0	1
SIGLEC5	0	0	0	1
LOC284379	0	0	0	1
SHISA7	0	0.00259924	inf	1
ZNF772	0	0.00737951	inf	1
CCDC164	0	0	0	1
KCNK3	0	0.0148282	inf	1
MEIS1	0	0.0139511	inf	1
VAX2	0	0.0377003	inf	1
ITPRIPL1	0	0	0	1
GPR45	0	0.0087322	inf	1
RGPD4	0	0.00206926	inf	1
IL37	0	0.0211671	inf	1
INHBB	0	0.00461136	inf	1
MYO7B	0	0.00467059	inf	1
RAB6C	0	0	0	1
TUBA3D	0	0.0287764	inf	1
HNMT	0	0.0151782	inf	1
PABPC1P2	0	0	0	1
KCNJ3	0	0.00162301	inf	1
DHRS9	0	0.00645842	inf	1
KLHL41	0	0.0040608	inf	1
HOXD13	0	0	0	1
AOX2P	0	0.00480578	inf	1
DES	0	0.00627669	inf	1
SPEG	0	0.00351917	inf	1
ASIC4	0	0.00694971	inf	1
COL4A3	0	0	0	1
LOC643387	0	0	0	1
NEU4	0	0.0363011	inf	1
LOC645949	0	0.00343681	inf	1
DBIL5P2	0	0	0	1

ADD2	0	0	0	1
TACR1	0	0.0146051 inf		1
LYG2	0	0.0497152 inf		1
EDAR	0	0.00505057 inf		1
C1QL2	0	0	0	1
LOC100216479	0	0.00722294 inf		1
WTH3DI	0	0	0	1
SCN3A	0	0	0	1
NEUROD1	0	0	0	1
LOC100130452	0	0.0613094 inf		1
ALS2CR12	0	0.0091613 inf		1
FEV	0	0.031015 inf		1
SNORA75	0	1.31778 inf		1
MGC16025	0	0.0271409 inf		1
OTOS	0	0.0308687 inf		1
TMC2	0	0	0	1
ISM1	0	0	0	1
C20orf26	0	0.010711 inf		1
ASIP	0	0.0568483 inf		1
SNORA39	0	0	0	1
WISP2	0	0	0	1
WFDC10A	0	0	0	1
WFDC13	0	0	0	1
APCDD1L-AS1	0	0.00539514 inf		1
LOC100144597	0	0	0	1
MYT1	0	0	0	1
ANGPT4	0	0	0	1
JPH2	0	0	0	1
WFDC5	0	0	0	1
SULF2	0	0.00302807 inf		1
GCNT7	0	0.0103402 inf		1
LINC00029	0	0	0	1
SRMS	0	0.0124577 inf		1
LINC00161	0	0.0183868 inf		1
LINC00189	0	0.0158448 inf		1
MRAP	0	0	0	1
LINC00649	0	0.0275202 inf		1
KCNJ15	0	0	0	1
LINC00319	0	0	0	1
ITGB2-AS1	0	0.0123007 inf		1
KCNE1	0	0	0	1
RUNX1-IT1	0	0.00636908 inf		1
LOC100133286	0	0	0	1
ITGB2	0	0.0107557 inf		1
LINC00162	0	0	0	1
COL18A1-AS2	0	0	0	1
COL18A1-AS1	0	0.0107792 inf		1
MYO18B	0	0	0	1
RFPL3	0	0.0210595 inf		1
GRAP2	0	0.00649865 inf		1
RIBC2	0	0	0	1
MOV10L1	0	0.0248063 inf		1
XKR3	0	0	0	1
POM121L1P	0	0.0270443 inf		1
RTDR1	0	0.0324285 inf		1
TMEM211	0	0	0	1
SEC14L3	0	0	0	1
PLA2G3	0	0	0	1
SHISA8	0	0	0	1
C22orf34	0	0	0	1
IL17REL	0	0	0	1
FGD5	0	0	0	1
GALNT15	0	0.00431821 inf		1
ITGA9	0	0.0082343 inf		1
DLEC1	0	0.00208089 inf		1
TGM4	0	0.0038042 inf		1
C3orf49	0	0.00684232 inf		1
FRG2C	0	0.0054824 inf		1
EPHA3	0	0.00369886 inf		1
LINC00636	0	0.0185398 inf		1
SLC35G2	0	0.00675405 inf		1
ESYT3	0	0.00756952 inf		1
GRK7	0	0	0	1
EGFEM1P	0	0.00936017 inf		1
CLDN11	0	0.00358307 inf		1
LINC00578	0	0	0	1
KCNMB2-IT1	0	0	0	1
AHSG	0	0	0	1
TPRG1	0	0	0	1

CLDN16	0	0.00254712	inf	1
LMCD1-AS1	0	0	0	1
ATP2B2	0	0.00581302	inf	1
SCN11A	0	0	0	1
CX3CR1	0	0.00669081	inf	1
LARS2-AS1	0	0.0103018	inf	1
LRRC2	0	0.0069521	inf	1
DNASE1L3	0	0	0	1
FAM107A	0	0	0	1
FRMD4B	0	0.00150235	inf	1
STX19	0	0.0205829	inf	1
PVRL3-AS1	0	0.0240693	inf	1
SLC9C1	0	0.0084121	inf	1
HGD	0	0.0202865	inf	1
MUC13	0	0.0164691	inf	1
KY	0	0.00171953	inf	1
PRR23A	0	0	0	1
CLRN1	0	0	0	1
TPRG1-AS2	0	0	0	1
ATP13A4	0	0	0	1
OPA1-AS1	0	0	0	1
LRRC15	0	0.00766743	inf	1
GP5	0	0.00393525	inf	1
EREG	0	0	0	1
SPP1	0	0.0261018	inf	1
FGF2	0	0.00359584	inf	1
SLC25A31	0	0.00540489	inf	1
IL15	0	0.00760091	inf	1
ZFP42	0	0	0	1
BEND4	0	0	0	1
COX7B2	0	0	0	1
TMPRSS11D	0	0	0	1
CCDC158	0	0.0136176	inf	1
SOWAHB	0	0.00569848	inf	1
ADH6	0	0.00725074	inf	1
NEUROG2	0	0	0	1
FAM198B	0	0	0	1
FSTL5	0	0	0	1
HPGD	0	0	0	1
SLED1	0	0.0566409	inf	1
LRRC14B	0	0	0	1
ROPN1L	0	0.0515426	inf	1
NIM1	0	0.00787619	inf	1
IL31RA	0	0.010033	inf	1
PMCHL2	0	0	0	1
SNORA13	0	1.45972	inf	1
PCDHB6	0	0.00364342	inf	1
AFAP1L1	0	0.00222641	inf	1
PPP1R2P3	0	0	0	1
EFCAB9	0	0	0	1
HMP19	0	0	0	1
CDHR2	0	0.0100668	inf	1
AGXT2	0	0.00484174	inf	1
RANBP3L	0	0	0	1
LOC100303749	0	0	0	1
LOC647859	0	0.0372908	inf	1
ACOT12	0	0	0	1
LOC100133050	0	0	0	1
C5orf63	0	0.00611452	inf	1
ACSL6	0	0.00497725	inf	1
KLHL3	0	0	0	1
SLC23A1	0	0.0103618	inf	1
NRG2	0	0.00452612	inf	1
SLC25A2	0	0	0	1
SPINK1	0	0.1629	inf	1
SLC36A2	0	0.0126029	inf	1
FNDC9	0	0.00403391	inf	1
PFN3	0	0.309625	inf	1
GRM6	0	0.0113147	inf	1
CBY3	0	0	0	1
ELOVL2-AS1	0	0	0	1
PHACTR1	0	0.0132061	inf	1
NRSN1	0	0	0	1
HIST1H2BE	0	0.236935	inf	1
NKAPL	0	0.010759	inf	1
LOC554223	0	0.0191724	inf	1
MCCD1	0	0.021057	inf	1
GGNBP1	0	0.0238754	inf	1
TSPO2	0	0.0118487	inf	1

FAM26F	0	0.0242877	inf	1
FAM26E	0	0	0	1
BRD7P3	0	0.0132043	inf	1
PLN	0	0	0	1
FABP7	0	0	0	1
LAMA2	0	0	0	1
SMLR1	0	0	0	1
ENPP3	0	0.00224523	inf	1
SUMO4	0	0.0296572	inf	1
PLEKHG1	0	0	0	1
VIP	0	0	0	1
LOC100507194	0	0.00634796	inf	1
PSORS1C3	0	0	0	1
NCR3	0	0	0	1
HLA-DRB6	0	0.0297742	inf	1
CLPS	0	0	0	1
PXT1	0	0.0151119	inf	1
TREM2	0	0.0115662	inf	1
GPR110	0	0	0	1
OEEP	0	0.090004	inf	1
FILIP1	0	0	0	1
GABRR2	0	0.00482211	inf	1
COL10A1	0	0.016219	inf	1
NHEG1	0	0	0	1
NMBR	0	0	0	1
LOC285740	0	0.0323477	inf	1
PARK2	0	0.0153282	inf	1
TCTE3	0	0.014398	inf	1
AMZ1	0	0.0074484	inf	1
SCIN	0	0.0029723	inf	1
ABCB5	0	0.00507636	inf	1
LOC100506178	0	0	0	1
FKBP6	0	0.0190948	inf	1
CD36	0	0	0	1
AZGP1P1	0	0	0	1
COL26A1	0	0	0	1
CFTR	0	0	0	1
ASB15	0	0	0	1
FAM71F1	0	0.0141368	inf	1
TMEM213	0	0	0	1
WEE2	0	0.00624779	inf	1
EPHA1-AS1	0	0	0	1
ABP1	0	0.00610708	inf	1
LINC00244	0	0	0	1
MMD2	0	0	0	1
RNF216-IT1	0	0	0	1
SOSTDC1	0	0	0	1
NACAD	0	0.00305629	inf	1
LOC100093631	0	0.00277984	inf	1
SGCE	0	0	0	1
CYP3A7,CYP3A7-CYP3AP1	0	0.00421283	inf	1
OR2AE1	0	0.0117042	inf	1
ACTL6B	0	0	0	1
MOGAT3	0	0.0339139	inf	1
SLC26A4-AS1	0	0.00505809	inf	1
GPR85	0	0	0	1
ASZ1	0	0	0	1
GRM8	0	0.00447049	inf	1
SLC13A4	0	0.0388717	inf	1
PRSS37	0	0	0	1
KEL	0	0.0161079	inf	1
OR2A20P,OR2A9P	0	0	0	1
ATP6V0E2-AS1	0	0	0	1
VIPR2	0	0	0	1
C8orf12,TDH	0	0.026967	inf	1
DEFB135	0	0	0	1
LOC100507156	0	0	0	1
SMIM18	0	0	0	1
LOC100287846	0	0	0	1
FAM110B	0	0.00850833	inf	1
DNAJC5B	0	0.00850459	inf	1
BAALC	0	0	0	1
RIMS2	0	0.00359591	inf	1
DEFB134	0	0	0	1
DOK2	0	0.00885284	inf	1
SCARA5	0	0	0	1
PURG	0	0	0	1
LOC728024	0	0.006292	inf	1
ANK1	0	0.0053012	inf	1

DKK4	0	0	0	1
PXDNL	0	0	0	1
ST18	0	0	0	1
OPRK1	0	0	0	1
LOC100130301	0	0.0185615 inf		1
DCAF4L2	0	0	0	1
GDF6	0	0	0	1
ENPP2	0	0	0	1
KLHL38	0	0	0	1
LOC100130231	0	0	0	1
ASAP1-IT1	0	0.0388251 inf		1
HPYR1	0	0.0206418 inf		1
KCNK9	0	0.0315571 inf		1
LYNX1	0	0	0	1
MLANA	0	0.00639678 inf		1
IFNA8	0	0	0	1
LOC100506422	0	0.0098148 inf		1
HRCT1	0	0	0	1
LOC158376	0	0	0	1
FAM27C	0	0.0902531 inf		1
ANKRD20A1,ANKRD20A3	0	0.00888028 inf		1
GDA	0	0	0	1
LOC100506834	0	0	0	1
NXNL2	0	0.104652 inf		1
C9orf47,S1PR3	0	0.00190568 inf		1
ACTL7A	0	0.0289767 inf		1
ORM2	0	0	0	1
MORN5	0	0	0	1
OR1L6	0	0	0	1
C9orf171	0	0	0	1
GF11B	0	0	0	1
PAEP	0	0	0	1
TUBBP5	0	0.0257631 inf		1
FLJ41200	0	0	0	1
FAM154A	0	0	0	1
IFNA17	0	0	0	1
LINC00032	0	0	0	1
CNTFR	0	0.00905191 inf		1
FOXDL5	0	0.00538082 inf		1
LOC100507299	0	0.0252687 inf		1
ALDH1A1	0	0	0	1
SLC28A3	0	0	0	1
STOM	0	0.0117124 inf		1
NR5A1	0	0.0281204 inf		1
C9orf50	0	0	0	1
FUT7	0	0.0146635 inf		1
XG	0	0.00259379 inf		1
CXorf28	0	0	0	1
MAGEB6	0	0.00467556 inf		1
LANCL3	0	0.00377885 inf		1
OTC	0	0	0	1
ERAS	0	0.018234 inf		1
PAGE4	0	0	0	1
HEPH	0	0.00192172 inf		1
DGAT2L6	0	0.0180771 inf		1
GDPD2	0	0.00508738 inf		1
AGTR2	0	0	0	1
ZCCHC12	0	0.00598587 inf		1
GLUD2	0	0	0	1
GRIA3	0	0.0106873 inf		1
CD40LG	0	0.00470367 inf		1
SLITRK2	0	0	0	1
MAMLD1	0	0	0	1
TKTL1	0	0.00416451 inf		1
ZFX-AS1	0	0	0	1
FTH1P18	0	0.0525229 inf		1
CXorf36	0	0	0	1
PCSK1N	0	0	0	1
SPIN2A	0	0	0	1
AWAT2	0	0	0	1
P2RY4	0	0.0107299 inf		1
IL2RG	0	0	0	1
ZDHHC15	0	0	0	1
TEX13B	0	0	0	1
CAPN6	0	0	0	1
CT45A5	0	0	0	1
SMIM9	0	0	0	1
TMLHE-AS1	0	0.00498618 inf		1
GYG2P1	0	0	0	1

Supplemental Table 3b. Analysis of genes that are differentially expressed in CAP-D3 shRNA expressing HT-29 cells as a result of infection.

Uninfected 1/2hr - time 0						
gene_id	gene	locus	t0	t5	log2(fold_change)	q_value
XLOC_004445	SYTL2	chr11:85405264-85522178	0.730107	0.118199	-2.62688	0.00153868
XLOC_000830	HSPA6	chr1:161494035-161496687	0.742602	0.177302	-2.06638	0.024868
XLOC_022336	CA9	chr9:35673914-35681154	184.183	46.6043	-1.98261	0.00153868
XLOC_017041	TRIML2	chr4:189012426-189026408	0.956458	0.251401	-1.92771	0.034328
XLOC_005157	B3GNT4	chr12:122688227-122692084	1.44368	0.38769	-1.89677	0.0276283
XLOC_009306	MGAT5B	chr17:74864797-74946471	3.23849	0.925096	-1.80765	0.00153868
XLOC_023696	PLXNB3	chrX:153029650-153044801	1.19693	0.344001	-1.79886	0.00153868
XLOC_008678	LDHD	chr16:75145757-75150670	4.14606	1.37858	-1.58856	0.00153868
XLOC_018342	C6orf141	chr6:49518112-49519808	1.65381	0.556654	-1.57094	0.0294837
XLOC_015463	SOX2-OT	chr3:180774467-181460013	1.30685	0.44057	-1.56866	0.00274688
XLOC_015716	AMT, NICN1	chr3:49454210-49466757	2.41353	0.818604	-1.5599	0.00274688
XLOC_000938	PLA2G4A	chr1:186798031-186958113	1.48864	0.526043	-1.50074	0.00153868
XLOC_022188	NDRG1	chr8:134249413-134309547	343.625	125.74	-1.45039	0.00153868
XLOC_003942	MIR210HG	chr11:565656-568457	12.5353	4.65413	-1.42941	0.00153868
XLOC_014922	BHLHE40	chr3:5021096-5026865	37.9537	14.1303	-1.42545	0.00153868
XLOC_014921	ITPR1	chr3:4535031-4889524	2.50605	0.949392	-1.40034	0.00153868
XLOC_003613	NEAT1	chr11:65190268-65194003	64.3069	24.3803	-1.39925	0.00153868
XLOC_015689	PFKFB4	chr3:48555116-48594227	52.1481	20.3135	-1.36018	0.00153868
XLOC_020707	CAV1	chr7:116164838-116201239	9.84976	3.86948	-1.34795	0.00153868
XLOC_022095	GEM	chr8:95261484-95274547	1.81103	0.719639	-1.33147	0.00659556
XLOC_020767	CALD1	chr7:134464163-134655480	21.3953	8.50306	-1.33124	0.00153868
XLOC_002510	DDIT4	chr10:74033676-74035797	136.542	55.2343	-1.30571	0.00153868
XLOC_000287	SH3D21	chr1:36771993-36786948	5.43711	2.20856	-1.29973	0.00153868
XLOC_009572	ALDOC	chr17:26900132-26903951	174.74	70.9923	-1.29948	0.00153868
XLOC_015870	CCDC80	chr3:112323408-112359977	1.16184	0.473676	-1.29443	0.00897284
XLOC_007613	RORA	chr15:60780482-61521502	1.42357	0.58215	-1.29005	0.00153868
XLOC_002519	FUT11	chr10:75532048-75535976	3.63619	1.52388	-1.25468	0.00659556
XLOC_020601	AKAP9	chr7:91570188-91739987	0.848107	0.357232	-1.24738	0.00153868
XLOC_012113	FOSL2	chr2:28615778-28637516	5.17904	2.21642	-1.22445	0.00153868
XLOC_017738	ARRDC3	chr5:90664540-90716532	5.34835	2.30497	-1.21435	0.00153868
XLOC_006739	DHRS1	chr14:24759803-24769039	2.45206	1.07174	-1.19403	0.0374759
XLOC_003096	SEC31B	chr10:102246402-102279595	0.608805	0.266773	-1.19037	0.0471668
XLOC_009986	RNF157	chr17:74132414-74236390	0.5302	0.233405	-1.1837	0.0460785
XLOC_016494	SPRY1	chr4:124317949-124324915	1.89329	0.839812	-1.17276	0.0117316
XLOC_015515	IL1RAP	chr3:190231839-190374986	2.67348	1.18933	-1.16856	0.00380811
XLOC_018631	NRN1	chr6:5998232-6007633	32.8587	14.7303	-1.15749	0.00153868
XLOC_020817	FAM115C	chr7:143318044-143427173	1.74945	0.786961	-1.15254	0.00820276
XLOC_014114	MIR155, MIR155H	chr21:26934456-26947480	4.09683	1.86017	-1.13908	0.0365493
XLOC_018274	PIM1	chr6:37137921-37143204	18.2524	8.30418	-1.13618	0.00153868
XLOC_000319	RIMKLA	chr1:42846467-42889900	2.43155	1.10819	-1.13368	0.00153868
XLOC_012286	KDM3A	chr2:86668270-86719839	18.9878	8.65549	-1.13339	0.00153868
XLOC_013304	CLK1	chr2:201717731-201729467	25.9124	11.8676	-1.12662	0.00153868
XLOC_016109	BCL6	chr3:187416046-187463513	3.88945	1.7961	-1.1147	0.00274688
XLOC_021143	SEMA3A	chr7:83587658-83824217	1.53913	0.717346	-1.10138	0.00572929
XLOC_004634	LOC283174	chr11:133766329-133771635	0.977015	0.458893	-1.09022	0.0130226
XLOC_023119	FIBCD1	chr9:133777824-133814455	6.82824	3.21252	-1.08781	0.00380811

XLOC_004689	ENO2	chr12:7023613-7032859	259.897	122.824	-1.08135	0.00153868
XLOC_021225	NAT16	chr7:100813773-100823557	2.57719	1.22655	-1.07119	0.0290262
XLOC_000680	ADAMTSL4	chr1:150521897-150533412	3.79552	1.81868	-1.06141	0.00274688
XLOC_000388	CDKN2C	chr1:51434366-51440309	14.043	6.74836	-1.05724	0.00153868
XLOC_007618	CA12	chr15:63615729-63674075	9.20069	4.46176	-1.04413	0.00153868
XLOC_000944	RGS2	chr1:192778168-192781407	5.11588	2.48287	-1.04297	0.0163491
XLOC_012203	OTX1	chr2:63277191-63284966	2.35214	1.14391	-1.04	0.0407657
XLOC_001663	F3	chr1:94994731-95007413	2.6278	1.27839	-1.03952	0.0220668
XLOC_022000	PLAG1	chr8:57073467-57123859	1.19163	0.580172	-1.03838	0.00820276
XLOC_015825	GBE1	chr3:81538849-81810950	30.1124	14.6614	-1.03834	0.00153868
XLOC_007171	STARD9	chr15:42867856-43013196	0.451662	0.222738	-1.01989	0.0111246
XLOC_010801	ARHGAP33	chr19:36266416-36279724	2.15841	1.06866	-1.01416	0.0324264
XLOC_011472	LOC284454,MIR2	chr19:13945329-13947173	10.8284	5.40596	-1.00219	0.00572929
XLOC_021785	MAPK15	chr8:144798506-144804633	5.57767	2.79814	-0.995192	0.0280907
XLOC_002287	ZNF669	chr1:247263263-247267674	3.45249	1.73362	-0.993851	0.0280907
XLOC_012401	INSIG2	chr2:118846049-118867597	12.9558	6.56941	-0.979763	0.00153868
XLOC_016322	SRD5A3	chr4:56212387-56251747	5.39667	2.75642	-0.969276	0.00380811
XLOC_004628	PRDM10	chr11:129769600-129875381	1.16003	0.595368	-0.962313	0.0276283
XLOC_000442	PDE4B	chr1:66258192-66840262	1.21549	0.628121	-0.952428	0.0365493
XLOC_001226	MEGF6	chr1:3404505-3528059	1.07567	0.557907	-0.947144	0.0393841
XLOC_002640	SCD	chr10:102106771-102124588	91.7868	47.6542	-0.945683	0.00153868
XLOC_016426	HERC3	chr4:89513573-89629693	2.96883	1.54226	-0.944843	0.0150346
XLOC_002244	EGLN1	chr1:231499496-231560790	18.8551	9.89369	-0.930372	0.00153868
XLOC_018400	ZNF292	chr6:87865268-87973406	1.68629	0.886776	-0.927209	0.00274688
XLOC_002990	P4HA1	chr10:74766979-74856732	31.5556	16.6787	-0.919892	0.00153868
XLOC_021506	C8orf58	chr8:22457113-22461662	28.8689	15.2613	-0.91964	0.00153868
XLOC_000472	DNAJB4	chr1:78470635-78482995	3.07625	1.63453	-0.912298	0.0280907
XLOC_020706	CAV2	chr7:116139654-116148595	3.134	1.66666	-0.911049	0.0169799
XLOC_006222	RAB20	chr13:111175412-111214071	23.278	12.3884	-0.909981	0.00274688
XLOC_012516	PDK1	chr2:173420778-173463862	23.1925	12.38	-0.905644	0.00153868
XLOC_021523	BNIP3L	chr8:26240522-26270644	47.8021	25.5647	-0.90292	0.00274688
XLOC_018520	KIAA1244	chr6:138483052-138665800	2.84452	1.52846	-0.896107	0.00153868
XLOC_015292	FAM162A	chr3:122103022-122128961	336.095	181.047	-0.892502	0.00274688
XLOC_006061	HSPH1	chr13:31710762-31736117	4.32039	2.33036	-0.89061	0.00380811
XLOC_010598	ZNF627	chr19:11708234-11729974	4.00189	2.15935	-0.890083	0.00820276
XLOC_000978	KDM5B-AS1	chr1:202780073-202781041	24.8557	13.4854	-0.882171	0.0487873
XLOC_016908	C4orf3	chr4:120217573-120225600	97.3648	52.9174	-0.879658	0.00153868
XLOC_023713	PLXNA3	chrX:153686622-153701985	6.53425	3.55375	-0.878682	0.00274688
XLOC_021742	ZNF572	chr8:125985538-125991630	1.674	0.91219	-0.87589	0.0475987
XLOC_001826	S100A10	chr1:151955385-151966714	235.447	128.897	-0.869187	0.00274688
XLOC_022228	NRBP2	chr8:144915754-144923146	12.2649	6.72679	-0.866549	0.00153868
XLOC_024067	APLN	chrX:128779235-128788933	5.33105	2.92814	-0.864438	0.0226901
XLOC_007490	GOLGA8A	chr15:34671269-34729667	16.5986	9.16876	-0.85626	0.00153868
XLOC_013244	KIAA1715	chr2:176790409-176867018	4.29825	2.38359	-0.850616	0.00572929
XLOC_013627	SPAG4	chr20:34203808-34208965	23.0442	12.8066	-0.847514	0.020985
XLOC_018374	SMAP1	chr6:71377478-71666788	3.52602	1.96318	-0.844853	0.0304296
XLOC_018408	PNRC1	chr6:89790428-89794879	29.4823	16.476	-0.83948	0.00153868
XLOC_021524	DPYSL2	chr8:26371708-26515693	7.9156	4.43104	-0.837052	0.00970147
XLOC_017989	CLK4	chr5:178029664-178054054	4.50443	2.53274	-0.830648	0.0169799

XLOC_022820	TPM2	chr9:35681989-35690053	94.1706	52.9663	-0.830203	0.00478151
XLOC_012260	HK2	chr2:75059781-75120481	41.2196	23.442	-0.814238	0.00153868
XLOC_004936	LRP1	chr12:57522281-57607125	7.02234	4.01137	-0.807858	0.00478151
XLOC_023490	PGK1	chrX:77359665-77382324	775.512	443.307	-0.806842	0.0130226
XLOC_017795	P4HA2	chr5:131528303-131563556	29.9817	17.1556	-0.805409	0.00659556
XLOC_006812	ERO1L	chr14:53108604-53162419	37.9246	21.8064	-0.79838	0.00478151
XLOC_006998	NUDT14	chr14:105639273-105647660	41.2776	24.0044	-0.782059	0.0143403
XLOC_007316	SNX33	chr15:75941347-75950968	25.0336	14.6189	-0.776035	0.00572929
XLOC_018064	MYLIP	chr6:16129316-16148478	4.763	2.78785	-0.772717	0.0355697
XLOC_020733	HILPDA	chr7:128095883-128098472	26.8359	15.7109	-0.772396	0.0156935
XLOC_010349	PIAS2	chr18:44390022-44497495	10.2475	6.00436	-0.771192	0.00739414
XLOC_003357	LDHA	chr11:18415935-18429765	1009.89	596.318	-0.760043	0.0253664
XLOC_003218	ATHL1	chr11:289137-295688	27.3367	16.1546	-0.758894	0.00970147
XLOC_023106	CCBL1	chr9:131595391-131644354	10.7887	6.39723	-0.754	0.0360613
XLOC_008924	WSB1	chr17:25621105-25640645	43.9651	26.1378	-0.750223	0.00274688
XLOC_018209	HSPA1B	chr6:31795511-31798031	47.0754	27.9919	-0.749967	0.0117316
XLOC_001000	CDK18	chr1:205473683-205501921	8.72852	5.1906	-0.749835	0.0285456
XLOC_000572	GSTM1	chr1:110230417-110236367	29.6255	17.6396	-0.748022	0.0243026
XLOC_000433	PGM1	chr1:64058946-64125916	44.1042	26.3548	-0.742846	0.0117316
XLOC_008231	ZNRF1	chr16:75032914-75144892	14.6183	8.74859	-0.740658	0.0169799
XLOC_013828	PROSAPIP1	chr20:3143272-3149207	4.41544	2.66001	-0.731127	0.0438785
XLOC_007010	TUBGCP5	chr15:22833394-22873891	5.19048	3.13961	-0.725283	0.0276283
XLOC_008045	ALDOA	chr16:30064410-30081741	4268.37	2585.32	-0.723343	0.0370145
XLOC_005862	COG6	chr13:40229763-40365802	3.34129	2.03136	-0.717957	0.0487873
XLOC_000304	RLF	chr1:40627040-40706593	4.0382	2.48019	-0.703265	0.0226901
XLOC_000036	TNFRSF14	chr1:2487207-2495267	18.5414	11.4007	-0.701623	0.0420136
XLOC_002655	DPCD	chr10:103348088-103369410	83.532	51.5637	-0.695972	0.0187307
XLOC_016392	CCNG2	chr4:78078356-78091213	6.76405	4.17922	-0.694655	0.0198871
XLOC_015396	TSC22D2	chr3:150126787-150177615	8.43122	5.25252	-0.682731	0.0370145
XLOC_009086	RUNDC1	chr17:41132581-41145707	5.97177	3.72445	-0.68113	0.0420136
XLOC_021934	ZNF395	chr8:28203101-28243977	14.0737	8.79494	-0.678259	0.0270318
XLOC_023940	XIST	chrX:73012039-73072588	6.05188	3.78778	-0.676032	0.0187307
XLOC_008811	KCTD11	chr17:7255207-7258262	14.7715	9.25287	-0.674846	0.0304296
XLOC_007303	CLK3	chr15:74900712-74922542	18.1181	11.36	-0.673477	0.0334318
XLOC_017747	ELL2	chr5:95220801-95297775	4.58964	2.87928	-0.672673	0.0379922
XLOC_006074	SMAD9	chr13:37418967-37494409	4.0037	2.51206	-0.672461	0.0456351
XLOC_001915	CRABP2	chr1:156669399-156675608	181.129	114.302	-0.664169	0.0318822
XLOC_001351	ID3	chr1:23884420-23886285	332.829	210.504	-0.660933	0.030086
XLOC_002077	IVNS1ABP	chr1:185265521-185286461	16.1141	10.355	-0.637993	0.0313688
XLOC_018243	PHF1	chr6:33378772-33384230	27.9185	17.9766	-0.635106	0.0374759
XLOC_014824	DDX17	chr22:38864082-38902345	63.7647	41.2618	-0.62795	0.0467998
XLOC_017461	CCNG1	chr5:162864576-162872022	54.7583	35.951	-0.607044	0.0429833
XLOC_005108	ERP29	chr12:112451151-112461024	95.8888	145.966	0.606201	0.0407657
XLOC_006054	SLC7A1	chr13:30083550-30169825	14.7536	22.4756	0.60729	0.0484091
XLOC_000738	HAX1	chr1:154245038-154248355	70.5868	108.026	0.613904	0.0484091
XLOC_021502	SLC39A14	chr8:22224761-22291640	22.4181	34.4442	0.619595	0.0484091
XLOC_008336	CLCN7	chr16:1494933-1525085	38.2058	58.9431	0.62553	0.0285456
XLOC_010555	HNRNPM	chr19:8509802-8554002	75.8007	116.97	0.625857	0.0355697
XLOC_004963	XPOT	chr12:64798152-64842463	16.3586	25.2861	0.628288	0.0420136

XLOC_023179	EDF1	chr9:139756570-139760738	877.983	1358.43	0.629675	0.034328
XLOC_021902	REEP4	chr8:21995532-21999448	45.8603	71.2185	0.635008	0.0270318
XLOC_008071	FUS	chr16:31191430-31206192	45.404	70.6345	0.637554	0.0313688
XLOC_002329	FAM208B	chr10:5726800-5805703	2.58162	4.04926	0.64938	0.0442243
XLOC_022687	NDOR1	chr9:140100118-140113813	11.1605	17.5901	0.656372	0.0290262
XLOC_005120	SDSL	chr12:113860215-113876081	33.556	52.915	0.657105	0.0215444
XLOC_006768	NFKBIA	chr14:35870715-35873960	30.1799	47.8314	0.66437	0.0294837
XLOC_018800	TAP2	chr6:32789609-32806547	19.136	30.5557	0.675155	0.0475987
XLOC_021382	EZH2	chr7:148504463-148581441	13.6169	21.7624	0.676442	0.0215444
XLOC_013479	RBCK1	chr20:388708-411610	36.9301	59.312	0.683527	0.0198871
XLOC_001440	SFPQ	chr1:35649200-35658743	59.4068	95.694	0.687801	0.0243026
XLOC_006668	C14orf80	chr14:105956191-105965585	14.2739	23.2166	0.701777	0.0399087
XLOC_001025	G0S2	chr1:209848669-209849735	262.405	426.871	0.702007	0.0130226
XLOC_022585	SLC27A4	chr9:131102838-131123749	45.1469	74.0319	0.713522	0.0156935
XLOC_013941	EIF6	chr20:33866708-33872619	254.362	417.412	0.714588	0.0117316
XLOC_001427	YARS	chr1:33240839-33324480	61.4312	101.265	0.7211	0.0192959
XLOC_012087	SLC35F6	chr2:26987141-27004099	16.8812	27.9226	0.726014	0.0123712
XLOC_012956	GFPT1	chr2:69546900-69614386	7.49258	12.3956	0.726294	0.00739414
XLOC_007156	CHAC1	chr15:41245635-41248717	26.0921	43.2353	0.728595	0.0187307
XLOC_009932	WIPI1	chr17:66417421-66453653	9.5551	15.8588	0.730941	0.0238313
XLOC_010842	PAPL	chr19:39574944-39602128	12.6066	20.9338	0.731655	0.020985
XLOC_008120	MT1E	chr16:56659584-56661024	1463.54	2431.94	0.732642	0.0130226
XLOC_021058	SUN3	chr7:48026745-48068716	26.7598	44.4948	0.733568	0.0156935
XLOC_010220	SEC11C	chr18:56807124-56826063	25.1216	42.2732	0.750815	0.0169799
XLOC_012250	MTHFD2	chr2:74425689-74442424	74.5707	126.134	0.758276	0.00739414
XLOC_022512	SLC31A1	chr9:115983807-116026772	12.781	21.663	0.761231	0.00572929
XLOC_006334	CTAGE5	chr14:39734475-39820397	4.52265	7.68407	0.764702	0.0181648
XLOC_009859	TRIM25	chr17:54965269-54991409	16.6037	28.3415	0.771407	0.00572929
XLOC_018891	GTPBP2	chr6:43543877-43596936	32.4657	55.7364	0.779704	0.0123712
XLOC_010664	KLF2	chr19:16435650-16438339	45.5296	78.2112	0.78057	0.0111246
XLOC_010178	MOCOS	chr18:33767479-33848685	13.2805	22.8254	0.781335	0.00897284
XLOC_000302	MFSD2A	chr1:40420783-40435628	9.90622	17.1558	0.79229	0.0130226
XLOC_000114	TMEM51	chr1:15479027-15546974	4.13637	7.16695	0.792993	0.038486
XLOC_008277	MAP1LC3B	chr16:87425800-87438380	66.0392	115.271	0.80364	0.00739414
XLOC_012987	SLC4A5	chr2:74443368-74570534	4.272	7.46629	0.805481	0.00659556
XLOC_000455	CTH	chr1:70876900-70905534	12.6888	22.3215	0.814877	0.00897284
XLOC_010623	IER2	chr19:13261281-13265718	120.194	211.688	0.816582	0.00153868
XLOC_000229	SESN2	chr1:28585962-28609002	46.8868	82.7034	0.818766	0.00739414
XLOC_018005	GFPT2	chr5:179727699-179780315	27.9795	49.6948	0.828725	0.00478151
XLOC_003978	PHLDA2	chr11:2949502-2950650	97.4132	173.092	0.829354	0.00380811
XLOC_006293	PCK2	chr14:24563482-24573339	65.9224	117.678	0.836001	0.00153868
XLOC_011342	PRR22	chr19:5782970-5784776	8.37095	15.0293	0.844314	0.0329313
XLOC_010236	SERPINB8	chr18:61637262-61656608	6.85437	12.3823	0.85318	0.00153868
XLOC_013045	DUSP2	chr2:96808907-96811179	21.9778	39.839	0.858135	0.00572929
XLOC_003981	CARS	chr11:3022151-3078681	27.8159	50.4273	0.858295	0.00478151
XLOC_007577	SPPL2A	chr15:50999736-51057910	2.95655	5.36886	0.860699	0.0220668
XLOC_009472	ALOXE3	chr17:7999217-8022234	6.45871	11.8561	0.876317	0.00153868
XLOC_003569	SLC3A2	chr11:62623483-62656355	177.061	330.119	0.898739	0.00153868
XLOC_020427	GARS	chr7:30634180-30673648	84.9968	159.157	0.904967	0.00153868

XLOC_002171	SLC30A1	chr1:211748380-211752099	3.25081	6.1094	0.910233	0.0238313
XLOC_010943	FOSB	chr19:45971252-45978437	3.8313	7.23078	0.916318	0.00478151
XLOC_011786	SLC1A5	chr19:47278139-47291842	189.811	362.555	0.933635	0.00153868
XLOC_019111	NHSL1	chr6:138743180-138893668	0.596258	1.15104	0.948934	0.0329313
XLOC_023028	AKNA	chr9:117096432-117156685	3.79408	7.50302	0.983721	0.00153868
XLOC_018746	IER3	chr6:30710975-30712327	49.0773	97.7447	0.993962	0.00153868
XLOC_011302	SLC39A3	chr19:2732522-2740074	28.3037	57.3423	1.01861	0.00380811
XLOC_018106	HIST1H2BH	chr6:26251878-26252303	16.2062	32.8385	1.01884	0.0270318
XLOC_008805	SLC16A13	chr17:6939393-6943440	8.90606	18.0716	1.02086	0.00478151
XLOC_003130	ITPRIP	chr10:106069453-106098251	5.36932	11.0571	1.04217	0.00153868
XLOC_007426	ARRDC4	chr15:98503932-98517068	1.38197	2.86896	1.0538	0.00478151
XLOC_021908	EGR3	chr8:22545173-22550815	1.37035	2.89847	1.08075	0.00659556
XLOC_022404	PSAT1	chr9:80912058-80945009	64.0677	135.74	1.08318	0.00153868
XLOC_003547	RPLP0P2	chr11:61382507-61406921	1.52003	3.29478	1.11608	0.00380811
XLOC_015077	CCRL2	chr3:46448720-46451014	2.05092	4.45019	1.11759	0.00572929
XLOC_017258	TSLP	chr5:110405777-110413722	2.98168	6.48329	1.1206	0.00274688
XLOC_018553	ULBP1	chr6:150285142-150294846	0.801345	1.76881	1.14229	0.0123712
XLOC_010614	JUNB	chr19:12902309-12904125	28.9494	64.4527	1.15471	0.00153868
XLOC_004943	MARS	chr12:57881735-57914300	31.4069	69.9251	1.15473	0.0464744
XLOC_005123	MAP1LC3B2	chr12:116997185-117014425	3.23517	7.20884	1.15593	0.0117316
XLOC_013478	TRIB3	chr20:361307-378203	86.9998	196.131	1.17274	0.00153868
XLOC_000637	TXNIP	chr1:145438461-145442628	24.3009	55.1876	1.18333	0.00153868
XLOC_012210	SLC1A4	chr2:65215578-65251000	6.60125	15.1473	1.19825	0.00153868
XLOC_003085	GOT1	chr10:101156626-101190530	28.3258	65.0037	1.1984	0.00153868
XLOC_021181	ASNS	chr7:97481428-97501854	121.67	279.956	1.20222	0.00153868
XLOC_002495	HKDC1	chr10:70980058-71027315	0.807765	1.90201	1.23552	0.00572929
XLOC_008718	SLC7A5	chr16:87863628-87903100	72.9445	172.618	1.24271	0.00153868
XLOC_004941	INHBE	chr12:57849095-57851791	0.715687	1.78933	1.32202	0.0137404
XLOC_020549	LAT2	chr7:73624086-73644164	0.488238	1.2277	1.3303	0.0294837
XLOC_006973	WARS	chr14:100800124-100842680	49.5459	125.762	1.34385	0.00153868
XLOC_006453	FOS	chr14:75745480-75748937	3.86396	9.94934	1.36452	0.00153868
XLOC_006235	LINC00565	chr13:114629486-114631964	0.391075	1.00899	1.36739	0.0491395
XLOC_010698	GDF15	chr19:18496967-18499986	144.133	379.777	1.39775	0.00153868
XLOC_009698	KRTAP2-3	chr17:39215492-39216344	1.74374	4.61657	1.40463	0.0308509
XLOC_016933	SLC7A11	chr4:138948576-139163503	1.48605	4.03336	1.4405	0.00153868
XLOC_015065	TMEM42	chr3:44903379-44907154	11.6616	31.8366	1.44892	0.00153868
XLOC_000667	HIST2H2AC	chr1:149858524-149858961	4.8598	13.3543	1.45833	0.0304296
XLOC_018683	HIST1H2AD,HIST	chr6:26197011-26199521	1.59222	4.79837	1.59151	0.0290262
XLOC_000559	SCARNA2	chr1:109642814-109643234	2.95508	9.25931	1.64771	0.0347593
XLOC_006682	RPPH1	chr14:20811229-20811570	52.1132	163.768	1.65193	0.00153868
XLOC_019081	CTGF	chr6:132269316-132272518	13.6548	47.2122	1.78975	0.00153868
XLOC_017345	EGR1	chr5:137801180-137805004	14.6991	55.2164	1.90937	0.00153868
XLOC_022818	RMRP	chr9:35657747-35658015	111.431	433.034	1.95834	0.00153868
XLOC_018098	HIST1H1E	chr6:26156558-26157343	1.92281	7.53524	1.97043	0.00380811
XLOC_016793	CXCL2	chr4:74962753-74964997	0.264681	1.13081	2.09502	0.038486
XLOC_007737	RPS17	chr15:82821160-82824865	0	1.91314 inf		0.00153868
XLOC_018682	HIST1H4D	chr6:26188937-26189304	0	2.4889 inf		0.00153868
gene_id	gene	locus	t0	t5	log2(fold_change)	q_value
XLOC_010184	LOC284260	chr18:39766632-40271389	0.13629	0.00673286	-4.33932	1

XLOC_023445	STARD8	chrX:67867510-67945684	0.0642379	0.00320027	-4.32716	1
XLOC_018126	LOC100507173	chr6:27661813-27678001	0.0962465	0.00603575	-3.99513	1
XLOC_012150	TMEM178A	chr2:39892637-39945104	0.411326	0.026225	-3.97127	0.482379
XLOC_003240	MUC5B	chr11:1244294-1283406	0.0492425	0.00392563	-3.64891	1
XLOC_015910	MYLK	chr3:123304402-123603149	0.0277447	0.002449	-3.50195	1
XLOC_011316	ZFR2	chr19:3804021-3869027	0.0699802	0.0062955	-3.47455	1
XLOC_013456	PP14571	chr2:241375114-241407495	0.0839271	0.00763361	-3.4587	1
XLOC_000771	SEMA4A	chr1:156119734-156147542	0.0775354	0.00712832	-3.44322	1
XLOC_004491	MMP10	chr11:102641232-102651359	0.0671801	0.00624064	-3.42827	1
XLOC_015884	LSAMP	chr3:115521209-116164385	0.0109204	0.00104311	-3.38807	1
XLOC_017684	LOC100272216	chr5:68926979-68929028	0.151672	0.0152663	-3.31253	1
XLOC_015021	SLC22A13	chr3:38307297-38319806	0.058047	0.0059726	-3.28079	1
XLOC_015059	ZNF660	chr3:44626455-44637557	0.0424024	0.00443253	-3.25794	1
XLOC_016278	PTTG2	chr4:37892704-38140796	0.251676	0.0272569	-3.20687	1
XLOC_000554	FNDC7	chr1:109255555-109285367	0.0345895	0.00376831	-3.19834	1
XLOC_003166	WDR11-AS1	chr10:122216465-122806858	0.0394968	0.0043327	-3.1884	1
XLOC_022433	LOC100128076	chr9:94895115-94900911	0.103099	0.0118846	-3.11686	1
XLOC_021503	PPP3CC	chr8:22298482-22398657	0.0948868	0.011426	-3.05389	1
XLOC_001708	DENND2D	chr1:111728590-111747160	0.0296717	0.00369731	-3.00454	1
XLOC_003766	HEPHL1	chr11:93754377-93847374	0.0131512	0.00170231	-2.94963	1
XLOC_000592	LOC100506343	chr1:112264685-112310199	0.0511727	0.00663006	-2.94828	1
XLOC_002485	TET1	chr10:70320116-70454239	0.0126009	0.00164193	-2.94006	1
XLOC_000573	GSTM5	chr1:110254863-110260890	0.170222	0.0225012	-2.91935	1
XLOC_009775	SLC4A1	chr17:42325757-42345502	0.0312844	0.00416309	-2.90972	1
XLOC_007776	ANPEP	chr15:90328125-90358072	0.0464797	0.0062242	-2.90064	1
XLOC_000813	SUMO1P3	chr1:160258376-160328742	0.0669182	0.00897685	-2.89812	1
XLOC_001152	TRIM58	chr1:248020500-248043438	0.0189099	0.00260503	-2.85977	1
XLOC_014465	POM121L9P	chr22:24647588-24661492	0.0201264	0.0027818	-2.855	1
XLOC_003946	CDHR5	chr11:616564-625067	0.0405589	0.0058208	-2.80073	1
XLOC_005878	TSC22D1-AS1	chr13:45006278-45154568	0.179248	0.0259993	-2.78541	1
XLOC_015872	CD200R1	chr3:112641531-112693937	0.0307035	0.00449733	-2.77126	1
XLOC_009871	RNF43	chr17:56378587-56494931	0.0399116	0.0059604	-2.74333	1
XLOC_008832	DNAH2	chr17:7623038-7737058	0.00660358	0.000988949	-2.73928	1
XLOC_018376	RIMS1	chr6:72596405-73112845	0.0649596	0.00987098	-2.71828	1
XLOC_015150	CACNA1D	chr3:53529075-53846492	0.0155896	0.00237416	-2.7151	1
XLOC_021917	STC1	chr8:23699433-23712320	0.0390198	0.00596632	-2.70929	1
XLOC_018551	LOC100652739	chr6:150139893-150244214	0.227213	0.0357354	-2.66861	1
XLOC_014301	C21orf62	chr21:34144410-34186053	0.0265292	0.00417754	-2.66685	1
XLOC_010091	CLUL1	chr18:596997-712662	0.0339046	0.0053771	-2.65658	1
XLOC_023002	C9orf152	chr9:112961845-112970413	0.0644151	0.0103856	-2.63281	1
XLOC_013636	C20orf118	chr20:35504569-35580246	0.0424705	0.00688095	-2.62578	1
XLOC_014652	ACR	chr22:51176651-51183727	0.0797048	0.0129466	-2.62209	1
XLOC_021689	MATN2	chr8:98881310-99048946	0.0172784	0.00282659	-2.61184	1
XLOC_007818	PDIA2	chr16:333117-337209	0.179306	0.0294623	-2.60548	1
XLOC_003938	ANO9	chr11:417929-442011	0.179325	0.0295895	-2.59942	1
XLOC_014862	NFAM1	chr22:42776413-42828401	0.0166129	0.00274273	-2.59862	1
XLOC_001428	FNDC5	chr1:33327868-33338082	0.0403151	0.00667391	-2.59472	1
XLOC_023113	PTGES	chr9:132500614-132515344	0.160308	0.0266061	-2.59101	1
XLOC_015174	PRICKLE2-AS3	chr3:64053639-64211131	0.0223608	0.00373504	-2.58178	1

XLOC_012488	SCN2A	chr2:166095911-166248820	0.00692609	0.00115724	-2.58135	1
XLOC_014390	LOC101101776	chr22:16162065-16172265	0.280744	0.0478019	-2.55411	1
XLOC_015301	KALRN	chr3:123813557-124440036	0.0172499	0.00294084	-2.55229	1
XLOC_000996	NFASC	chr1:204797781-204991950	0.0113202	0.00193242	-2.55042	1
XLOC_011084	ZNF880	chr19:52873169-52889046	0.050977	0.00878033	-2.5375	1
XLOC_013070	AFF3	chr2:100163715-100759037	0.0175849	0.00305935	-2.52304	1
XLOC_016655	PPP2R2C	chr4:6322304-6565327	0.0178609	0.00312605	-2.51439	1
XLOC_014793	APOL4	chr22:36585175-36600879	0.020018	0.00350522	-2.51372	1
XLOC_002980	UNC5B-AS1	chr10:72972291-73062635	1.63611	0.287453	-2.50887	0.691509
XLOC_016399	LOC100505875	chr4:79892901-80229953	0.429436	0.0758055	-2.50207	0.21252
XLOC_002390	LINC00264	chr10:26878793-26883251	0.115549	0.0204601	-2.49762	1
XLOC_013874	LINC00652	chr20:18768614-18776709	0.0676771	0.0121293	-2.48017	1
XLOC_004526	CRYAB	chr11:111779349-111782473	0.472208	0.0847718	-2.47777	0.386509
XLOC_014125	GRIK1-AS2	chr21:30909253-31312282	0.0625846	0.011285	-2.4714	1
XLOC_012322	ZAP70	chr2:98330030-98356323	0.272725	0.0498443	-2.45194	1
XLOC_017261	STARD4-AS1	chr5:110834021-111353003	0.0103563	0.00190701	-2.44112	1
XLOC_001954	KCNJ10	chr1:160007256-160040051	0.0114407	0.00213992	-2.41855	1
XLOC_021775	GPIHBP1	chr8:144295067-144299044	0.0398415	0.00749925	-2.40945	1
XLOC_000963	IGFN1	chr1:201159952-201198080	0.00508052	0.00095955	-2.40455	1
XLOC_000581	PROK1	chr1:110993787-110999976	0.0608676	0.0115284	-2.40048	1
XLOC_004502	CASP1	chr11:104896236-104905884	0.144264	0.027447	-2.39399	1
XLOC_013378	PTPRN	chr2:220154344-220174295	0.139444	0.0268726	-2.37547	1
XLOC_002899	C10orf10	chr10:45455218-45490172	0.0898782	0.0175796	-2.35407	1
XLOC_015439	LRRIQ4	chr3:169539709-169555560	0.0730968	0.0143803	-2.34572	1
XLOC_002186	LOC643723	chr1:219254316-219347130	0.104364	0.0206518	-2.33728	1
XLOC_009549	MFAP4	chr17:19240866-19290532	0.044653	0.00900536	-2.3099	1
XLOC_013347	ABCA12	chr2:215796265-216003151	0.00630627	0.00127222	-2.30944	1
XLOC_012517	RAPGEF4	chr2:173587917-173917620	0.0952646	0.0192611	-2.30625	1
XLOC_004632	OPCML	chr11:132284874-133402403	0.00841117	0.0017014	-2.30558	1
XLOC_016029	PA2G4P4	chr3:156465131-156534851	0.0193583	0.00393348	-2.29908	1
XLOC_004128	DCDC5	chr11:30885149-31014233	0.0154878	0.00318105	-2.28356	1
XLOC_004212	SLC43A3	chr11:57174426-57195053	0.220655	0.0453218	-2.28352	1
XLOC_013951	SLA2	chr20:35201875-35274619	0.066454	0.0136594	-2.28246	1
XLOC_010757	WDR88	chr19:33622997-33666703	0.0405054	0.00843239	-2.2641	1
XLOC_018750	PSORS1C2	chr6:31082607-31107869	0.112836	0.0235634	-2.25961	1
XLOC_000349	C1orf228	chr1:45140393-45191263	0.194281	0.0408224	-2.25071	1
XLOC_015908	ADCY5	chr3:123001142-123167392	0.0415961	0.00881844	-2.23785	1
XLOC_020809	TMEM139	chr7:142982039-142985141	0.0506922	0.0107641	-2.23553	1
XLOC_009578	NARR,RAB34	chr17:27041298-27045286	0.246683	0.0531019	-2.21583	1
XLOC_013201	AHCTF1P1	chr2:162355577-162364413	0.00751864	0.00162076	-2.2138	1
XLOC_003199	BNIP3	chr10:133781203-133795435	0.0722968	0.015615	-2.211	1
XLOC_016931	PCDH18	chr4:138440073-138453629	0.0467917	0.0101113	-2.21029	1
XLOC_014783	SLC5A4	chr22:32614462-32651318	0.158831	0.0343225	-2.21026	1
XLOC_009909	CD79B	chr17:62006097-62009704	0.0841809	0.018194	-2.21003	1
XLOC_013662	L3MBTL1	chr20:42136319-42170535	0.356169	0.0773431	-2.20322	1
XLOC_014768	GAL3ST1	chr22:30950623-30960876	0.10588	0.0231776	-2.19163	1
XLOC_008869	TBC1D26	chr17:15635590-15648098	0.192886	0.0423029	-2.18892	1
XLOC_013402	SLC19A3	chr2:228549925-228582745	0.0136371	0.00300719	-2.18105	1
XLOC_009236	RGS9	chr17:63133455-63223821	0.109129	0.0240966	-2.17913	1

XLOC_004056	STK33	chr11:8413417-8615503	0.0162972	0.00360566	-2.17629	1
XLOC_007356	AGSK1,LOC7278	chr15:82944792-82986427	0.044647	0.00992845	-2.16892	1
XLOC_002008	C1orf114	chr1:169337193-169396670	0.0234623	0.0052184	-2.16866	1
XLOC_010154	HRH4	chr18:22040592-22059921	0.0168119	0.00374962	-2.16467	1
XLOC_005258	RBP5	chr12:7276279-7281466	0.154178	0.0345412	-2.15821	1
XLOC_012075	FAM228A	chr2:24397971-24414567	0.0500991	0.0112283	-2.15765	1
XLOC_023085	ENG	chr9:130577290-130617047	0.360513	0.0809132	-2.15561	1
XLOC_018135	OR2B6	chr6:27925018-27925960	0.0997317	0.0223986	-2.15464	1
XLOC_010415	LOC100131655	chr18:74506687-74534251	0.0545257	0.0122974	-2.14859	1
XLOC_016095	LIPH	chr3:185225569-185270369	0.0199439	0.00453229	-2.13764	1
XLOC_014154	KCNE2	chr21:35736322-35743440	0.229521	0.0526812	-2.12327	1
XLOC_016126	LRRC15	chr3:194075975-194090472	0.0101235	0.0023298	-2.11943	1
XLOC_004648	LRTM2	chr12:1901122-2027870	0.0296117	0.00684633	-2.11276	1
XLOC_012274	SH2D6	chr2:85661917-85664152	0.140491	0.0329651	-2.09146	1
XLOC_005068	CHST11	chr12:104850691-105155792	0.0132	0.00309838	-2.09095	1
XLOC_003421	TSPAN18	chr11:44785975-44972857	0.0149568	0.0035196	-2.08731	1
XLOC_000065	ENO1-AS1	chr1:8921058-8939943	0.275893	0.0649512	-2.08668	1
XLOC_003141	NRAP	chr10:115310589-115423829	0.00930801	0.00219374	-2.08508	1
XLOC_014519	SLC5A1	chr22:32439018-32509011	0.0148472	0.00350294	-2.08356	1
XLOC_012114	PLB1	chr2:28718937-28866653	0.0157303	0.00371858	-2.08072	1
XLOC_014551	GALR3	chr22:38219388-38221502	1.33644	0.31638	-2.07867	0.213961
XLOC_005679	TMEM119	chr12:108983621-108991894	0.0345781	0.00822248	-2.07221	1
XLOC_021331	SLC13A4	chr7:135365986-135412933	0.0216776	0.00515545	-2.07203	1
XLOC_005901	DLEU7-AS1	chr13:51286758-51424041	0.0266449	0.00635232	-2.06851	1
XLOC_000056	TAS1R1	chr1:6615337-6639817	0.0358858	0.00855673	-2.06828	1
XLOC_015758	SEMA3G	chr3:52467267-52479043	0.0194257	0.0046331	-2.06792	1
XLOC_011324	TMIGD2	chr19:4292224-4302428	0.0862017	0.020568	-2.06731	1
XLOC_018799	HLA-DOB	chr6:32780539-32784825	0.187182	0.0446665	-2.06718	1
XLOC_003342	SPON1	chr11:13984183-14289679	0.044005	0.0105184	-2.06475	1
XLOC_015591	COL6A4P1	chr3:15206868-15247466	0.0462147	0.0110746	-2.06109	1
XLOC_007349	IL16	chr15:81489218-81616524	0.0412166	0.00992405	-2.05422	1
XLOC_023021	RNF183	chr9:116059372-116061320	0.119961	0.028979	-2.04949	1
XLOC_014001	SPATA25	chr20:44515129-44516238	0.293828	0.071054	-2.04799	1
XLOC_007187	TRIM69	chr15:45028559-45060025	0.275767	0.066971	-2.04184	1
XLOC_011204	ZNF582-AS1	chr19:56905044-56910544	0.101484	0.0247019	-2.03855	1
XLOC_007976	ACSM3	chr16:20775311-20860990	0.336532	0.0820885	-2.03549	1
XLOC_005431	DHH	chr12:49483205-49488602	0.0582296	0.0142286	-2.03296	1
XLOC_015492	C3orf65	chr3:185361526-185542827	0.0971297	0.0237623	-2.03124	1
XLOC_022682	C9orf139	chr9:139901685-139931234	0.0199088	0.00487821	-2.02898	1
XLOC_002751	LOC283038	chr10:127371811-127408062	0.0507916	0.0126002	-2.01115	1
XLOC_018795	HLA-DRB6	chr6:32520489-32527779	0.116172	0.0288729	-2.00848	1
XLOC_005329	GUCY2C	chr12:14765567-14849519	0.0108652	0.00270309	-2.00703	1
XLOC_011600	KRTDAP	chr19:35978225-35981433	0.583318	0.146233	-1.99601	0.651207
XLOC_008618	EXOC3L1	chr16:67218281-67224107	0.142456	0.0358744	-1.98948	1
XLOC_021283	FEZF1	chr7:121941447-121950131	0.208681	0.0525612	-1.98923	1
XLOC_001745	TBX15	chr1:119425665-119532179	0.0273553	0.00690078	-1.98699	1
XLOC_006271	RPGRIP1	chr14:21756135-21819460	0.015608	0.00395693	-1.97983	1
XLOC_022692	C9orf173	chr9:140144670-140147949	0.28138	0.0723641	-1.95917	1
XLOC_017961	LOC643201	chr5:175570087-175626298	0.0608338	0.0157258	-1.95173	1

XLOC_006097	ENOX1	chr13:43787665-44361116	0.0185307	0.00479237	-1.9511	1
XLOC_021644	ZFHX4	chr8:77523113-77779521	0.0108854	0.00282604	-1.94554	1
XLOC_009485	RNF222	chr17:8294022-8301144	0.0293934	0.00765092	-1.94179	1
XLOC_006436	ACOT4	chr14:74058409-74062470	0.0431563	0.0112411	-1.94079	1
XLOC_022859	AQP7P1	chr9:67270214-67289492	0.0150622	0.0039262	-1.93973	1
XLOC_021289	IQUB	chr7:123092235-123174718	0.0360214	0.00940583	-1.93723	1
XLOC_001403	MATN1	chr1:31184123-31199593	0.10168	0.0265733	-1.93598	1
XLOC_018020	IRF4	chr6:391738-411443	0.0672161	0.0178006	-1.91688	1
XLOC_001027	TRAF3IP3	chr1:209929393-209957890	0.0204914	0.00550852	-1.89528	1
XLOC_004679	LAG3	chr12:6881669-6887621	0.0972157	0.0263551	-1.88311	1
XLOC_005234	ANO2	chr12:5671816-6055398	0.0187957	0.00510687	-1.87989	1
XLOC_010560	OR7D2	chr19:9296269-9299493	0.0705926	0.0191825	-1.87973	1
XLOC_012171	LOC100134259	chr2:47055002-47086145	0.0600714	0.0163488	-1.87749	1
XLOC_004934	GPR182	chr12:57388354-57390469	0.0433877	0.0118157	-1.87658	1
XLOC_009539	USP32P2	chr17:18414575-18424566	0.119933	0.032777	-1.87147	1
XLOC_013280	MSTN	chr2:190920425-190927455	0.0128398	0.00351201	-1.87026	1
XLOC_001415	COL16A1	chr1:32117847-32169768	0.0107299	0.00294425	-1.86567	1
XLOC_002097	SMIM16	chr1:200311671-200342920	0.0305189	0.0083919	-1.86263	1
XLOC_015243	HHLA2	chr3:108021331-108097126	0.0144893	0.00401388	-1.85192	1
XLOC_014679	CLDN5	chr22:19510546-19512860	0.0501204	0.0139309	-1.84711	1
XLOC_023251	VCX3B	chrX:8432870-8434551	0.0459764	0.0127806	-1.84694	1
XLOC_013500	GNRH2	chr20:3024267-3026391	0.2282	0.0636379	-1.84234	1
XLOC_015336	COL6A6	chr3:130279177-130395888	0.00440843	0.00123679	-1.83366	1
XLOC_000419	LOC100131060	chr1:59250822-59365384	0.0565775	0.0159299	-1.82849	1
XLOC_009887	LOC645638	chr17:58160926-58165828	0.103225	0.0290963	-1.82689	1
XLOC_006399	PPP1R36	chr14:65016619-65056096	0.0308335	0.00869128	-1.82686	1
XLOC_009257	SSTR2	chr17:71161159-71168062	0.0142829	0.00402684	-1.82657	1
XLOC_006137	LINC00282	chr13:52387482-52419286	0.0206982	0.00583601	-1.82645	1
XLOC_004791	TSPAN11	chr12:31079837-31149537	0.0129527	0.00365562	-1.82507	1
XLOC_016966	ANXA2P1	chr4:154074269-154260474	0.0298558	0.00843184	-1.82409	1
XLOC_005488	SP7	chr12:53720359-53730004	0.0178774	0.00505036	-1.82368	1
XLOC_020387	RPL23P8	chr7:20866916-20867439	0.1059	0.0299349	-1.82281	1
XLOC_014056	SYCP2	chr20:58438617-58507209	0.041511	0.0117548	-1.82025	1
XLOC_015094	FBXW12	chr3:48413708-48436190	0.0580869	0.0165484	-1.81152	1
XLOC_022657	PAEP	chr9:138453603-138458622	0.0672789	0.0191763	-1.81083	1
XLOC_006310	C14orf23	chr14:29241909-29264000	0.0308155	0.00878371	-1.81076	1
XLOC_018155	OR2H2	chr6:29555682-29556745	0.245828	0.0701101	-1.80995	1
XLOC_013800	LINC00266-1	chr20:62921737-62934707	0.0794389	0.0227055	-1.8068	1
XLOC_021193	CYP3A5	chr7:99245812-99277621	0.0392688	0.0112375	-1.80506	1
XLOC_015723	UBA7	chr3:49842637-49851391	0.153196	0.0439025	-1.80301	1
XLOC_014078	EEF1A2	chr20:62119364-62130668	0.045957	0.0131857	-1.80132	1
XLOC_003571	SLC22A9	chr11:63014620-63330855	0.0374522	0.0107501	-1.8007	1
XLOC_011549	TM6SF2	chr19:19375173-19384074	0.0454439	0.0130465	-1.80043	1
XLOC_011675	CNTD2	chr19:40728114-40732597	0.0488173	0.0140626	-1.79553	1
XLOC_011878	KLK1	chr19:51322403-51327043	0.0952803	0.0274575	-1.79498	1
XLOC_023924	INGX	chrX:70430034-70948962	0.0555701	0.0160415	-1.7925	1
XLOC_004572	CCDC153	chr11:119060962-119066584	0.245566	0.0710521	-1.78916	1
XLOC_020747	SMO	chr7:128828712-128853385	0.0782404	0.0226435	-1.78882	1
XLOC_016385	C4orf26	chr4:76481257-76491103	0.0553295	0.0160388	-1.78648	1

XLOC_011257	FLJ45445	chr19:197015-202209	0.0368016	0.0107809	-1.7713	1
XLOC_009287	SMIM5	chr17:73584138-73663269	0.10814	0.0317324	-1.76887	1
XLOC_013755	CDH4	chr20:59827481-60515673	0.0449993	0.0132503	-1.76388	1
XLOC_023784	MAP7D2	chrX:20024830-20135114	0.0303144	0.00893963	-1.76171	1
XLOC_006859	FUT8-AS1	chr14:65877309-66210839	0.219084	0.0646293	-1.76122	1
XLOC_003309	NLRP14	chr11:7041699-7092757	0.0178654	0.00531807	-1.74819	1
XLOC_007707	TYRO3P	chr15:76508628-76603810	0.0882537	0.0263755	-1.74246	1
XLOC_013284	STAT4	chr2:191894301-192016322	0.0379482	0.0113631	-1.73968	1
XLOC_014142	C21orf49	chr21:34144410-34186053	0.0708899	0.0212315	-1.73938	1
XLOC_017893	PDGFRB	chr5:149493401-149535422	0.0124924	0.00376237	-1.73133	1
XLOC_011598	LGI4	chr19:35615416-35626178	0.0322417	0.00973488	-1.72769	1
XLOC_002409	LOC100129055	chr10:38464598-38503273	0.0819437	0.0247478	-1.72733	1
XLOC_007207	FGF7	chr15:49447975-49913118	0.00795103	0.00240461	-1.72534	1
XLOC_017794	ACSL6	chr5:131285666-131347761	0.00859279	0.00261304	-1.7174	1
XLOC_000254	DCDC2B	chr1:32674694-32681797	0.0881665	0.0268931	-1.713	1
XLOC_021605	CLVS1	chr8:62200524-62627199	0.0326386	0.0100185	-1.70392	1
XLOC_012101	LOC100505624	chr2:27548715-27579901	0.137388	0.0422389	-1.70161	1
XLOC_018539	LOC100507557	chr6:145946439-146285233	0.0336606	0.010424	-1.69115	1
XLOC_010597	CNN1	chr19:11649578-11661138	0.161627	0.0502498	-1.68548	1
XLOC_000571	GSTM2	chr1:110210643-110226619	0.31541	0.098105	-1.68483	1
XLOC_004216	YPEL4	chr11:57412559-57417417	0.51728	0.160945	-1.68437	0.108351
XLOC_018253	SCUBE3	chr6:35182189-35218609	0.0203647	0.00634795	-1.68171	1
XLOC_016708	TLR1	chr4:38797875-38806412	0.0356989	0.0111558	-1.67808	1
XLOC_004089	SOX6	chr11:15987994-16497935	0.00791518	0.00247366	-1.67797	1
XLOC_021985	SNAI2	chr8:49830238-49833999	0.0192522	0.00602384	-1.67627	1
XLOC_020979	HOXA6	chr7:27179982-27196296	0.461419	0.144458	-1.67542	0.859038
XLOC_005667	ALDH1L2	chr12:105413561-105478341	0.00430574	0.00135	-1.6733	1
XLOC_006814	FERMT2	chr14:53323988-53417815	0.028771	0.00906385	-1.66642	1
XLOC_016599	ANKRD37	chr4:186317839-186347139	9.78827	3.08593	-1.66535	0.185874
XLOC_023666	LOC100272228	chrX:149106765-149185018	0.130377	0.0411053	-1.6653	1
XLOC_011927	ZNF347	chr19:53641956-53662322	0.00707974	0.00223241	-1.66509	1
XLOC_015668	LRRC2	chr3:46556877-46608040	0.0065013	0.00205602	-1.66087	1
XLOC_022760	MIR31HG	chr9:21454266-21559697	0.56421	0.178629	-1.65927	0.106773
XLOC_022178	LOC100507117	chr8:131064350-131455906	0.0173915	0.00551239	-1.65764	1
XLOC_018052	SYCP2L	chr6:10887063-10974541	0.199536	0.0633629	-1.65494	1
XLOC_012033	ALLC	chr2:3705785-3750260	0.174	0.0552587	-1.65482	1
XLOC_023971	PCDH19	chrX:99546641-99665271	0.00458183	0.00145898	-1.65096	1
XLOC_007742	CPEB1	chr15:83211950-83378635	0.0137508	0.00438059	-1.65031	1
XLOC_005394	RACGAP1P	chr12:45456400-45459194	0.0118161	0.00377525	-1.64611	1
XLOC_015882	ZBTB20	chr3:114056946-114866127	0.0675192	0.0215733	-1.64605	1
XLOC_004989	LGR5	chr12:71833812-71978621	0.0139472	0.00446569	-1.64302	1
XLOC_009606	ARGFXP2	chr17:30469472-30552746	0.0321633	0.0103091	-1.64149	1
XLOC_001725	BCL2L15	chr1:114356432-114447741	0.0584597	0.0188906	-1.62978	1
XLOC_011401	ZNF426	chr19:9638680-9649303	0.0460543	0.0149405	-1.62411	1
XLOC_015360	CLDN18	chr3:137717657-137752494	0.0263265	0.00856227	-1.62045	1
XLOC_018115	HCG11	chr6:26521933-26527612	0.00850632	0.00276971	-1.6188	1
XLOC_000395	GPX7	chr1:53068042-53074723	0.0360677	0.0117534	-1.61763	1
XLOC_015976	PRR23C	chr3:138760943-138763734	0.0444076	0.0144791	-1.61683	1
XLOC_008392	SRL	chr16:4239374-4292081	0.00990579	0.00323341	-1.61522	1

XLOC_016030	LOC339894	chr3:156799455-156840791	0.0195692	0.00639515	-1.61354	1
XLOC_006471	C14orf178	chr14:78183943-78236085	0.089793	0.0294299	-1.60932	1
XLOC_008265	CRISPLD2	chr16:84853586-84943116	0.0358459	0.0117764	-1.60591	1
XLOC_021933	NUGGC	chr8:27879480-27941388	0.0100006	0.00329128	-1.60336	1
XLOC_019049	COL10A1	chr6:116421998-116566853	0.0259572	0.00856944	-1.59886	1
XLOC_001579	HSD52	chr1:59597607-59612479	0.219199	0.0724348	-1.59749	1
XLOC_012383	IL37	chr2:113670547-113676458	0.129635	0.0428586	-1.5968	1
XLOC_000543	ACTG1P4	chr1:104068577-104122149	0.0482405	0.0159545	-1.59629	1
XLOC_014187	ZNF295-AS1	chr21:43442112-43445060	0.0561469	0.0186007	-1.59385	1
XLOC_017065	ADAMTS16	chr5:5140442-5320412	0.0169388	0.00562304	-1.59091	1
XLOC_005662	GNN	chr12:104237526-104323989	0.0430021	0.0142892	-1.58948	1
XLOC_007980	ANKS4B	chr16:21245015-21263750	0.017658	0.00587602	-1.58741	1
XLOC_016427	FAM13A-AS1	chr4:89630939-89978346	0.258361	0.0861027	-1.58526	1
XLOC_010244	LOC100505817	chr18:70992175-71017124	0.0422829	0.0141059	-1.58377	1
XLOC_021188	KPNA7	chr7:98771196-98805089	0.0265466	0.00885971	-1.5832	1
XLOC_018010	HEIH	chr5:180256953-180262726	0.0368133	0.0123047	-1.58102	1
XLOC_005264	SLC2A14	chr12:7966396-8025495	0.0289748	0.0097358	-1.57343	1
XLOC_012636	RUFY4	chr2:218899656-218955304	0.0229377	0.00772078	-1.5709	1
XLOC_009729	KRT42P	chr17:39782578-39796451	0.015619	0.00527134	-1.56706	1
XLOC_016667	SLC2A9	chr4:9827847-10041872	0.0632738	0.0213754	-1.56566	1
XLOC_003744	CCDC81	chr11:86085777-86134151	0.10629	0.0360309	-1.5607	1
XLOC_023293	PHEX	chrX:22050920-22266478	0.0413073	0.0140095	-1.55999	1
XLOC_002405	GJD4	chr10:35894337-35897863	0.0477965	0.0162253	-1.55866	1
XLOC_003360	SPTY2D1-AS1	chr11:18621350-18656020	0.0590306	0.0201146	-1.55322	1
XLOC_003825	ANKK1	chr11:113258512-113271140	0.171896	0.0586147	-1.5522	1
XLOC_015106	BSN	chr3:49591921-49708982	0.0496136	0.0169338	-1.55083	1
XLOC_011995	ZNF671	chr19:58231118-58238995	0.0395666	0.0135601	-1.54492	1
XLOC_011825	CGB	chr19:49526125-49527632	0.116055	0.0399664	-1.53795	1
XLOC_008291	LOC400558	chr16:89232790-89235555	0.0458837	0.0158059	-1.53752	1
XLOC_002765	DPYSL4	chr10:134000413-134019280	0.0435497	0.0150289	-1.53492	1
XLOC_012510	CYBRD1	chr2:172378756-172414643	0.0073051	0.0025288	-1.53045	1
XLOC_021173	PDK4	chr7:95212808-95225925	0.291077	0.10082	-1.52962	1
XLOC_013905	FAM182B	chr20:25744101-25781927	0.113469	0.0393498	-1.52787	1
XLOC_010191	RNF165	chr18:43914186-44040783	0.333849	0.115891	-1.52643	1
XLOC_007661	ANP32A-IT1	chr15:69070874-69113261	0.0248927	0.00865796	-1.52362	1
XLOC_010167	MEP1B	chr18:29769986-29800366	0.0312432	0.0108827	-1.5215	1
XLOC_000136	PADI1	chr1:17531620-17572501	0.0602007	0.0209815	-1.52066	1
XLOC_016189	DOK7	chr4:3465032-3496209	0.0313435	0.0109784	-1.5135	1
XLOC_012730	RBM44	chr2:238707387-238751451	0.108678	0.0381503	-1.51029	1
XLOC_015049	CCBP2	chr3:42850963-42908775	0.0305267	0.0107206	-1.50968	1
XLOC_002178	C1orf227	chr1:213003484-213020991	0.193594	0.0681444	-1.50636	1
XLOC_023196	LOC100129722	chr9:140144670-140147949	0.455542	0.160494	-1.50506	0.249717
XLOC_007766	HAPLN3	chr15:89420518-89438770	0.453577	0.160618	-1.49772	0.266689
XLOC_001147	NLRP3	chr1:247579457-247612406	0.0976301	0.0346078	-1.49623	1
XLOC_011484	PTGER1	chr19:14583277-14586174	0.104257	0.0372272	-1.48572	1
XLOC_008535	PRSS8	chr16:31142753-31147151	0.318927	0.114238	-1.48118	1
XLOC_008467	PDZD9	chr16:21995185-22012431	0.029016	0.0104022	-1.47996	1
XLOC_000174	C1orf213	chr1:23685940-23698330	1.35571	0.486506	-1.47852	0.592657
XLOC_016589	FAM92A1P2	chr4:183958817-183961272	0.0125181	0.00449338	-1.47815	1

XLOC_012356	RGPD4	chr2:108443387-108509000	0.00384506	0.00138083	-1.47748	1
XLOC_019168	AIRN	chr6:160390130-160527583	0.0271607	0.00979339	-1.47164	1
XLOC_006809	FRMD6-AS1	chr14:51921229-52197444	0.301722	0.108817	-1.47132	1
XLOC_005849	STARD13-AS	chr13:33677271-34250932	0.0832387	0.0300648	-1.46918	1
XLOC_007701	CSPG4	chr15:75966662-76005189	0.0211523	0.00764365	-1.46848	1
XLOC_012281	ATOH8	chr2:85980908-86018506	0.0146532	0.00530712	-1.46521	1
XLOC_009992	ST6GALNAC2	chr17:74561460-74582145	0.143767	0.0520946	-1.46453	1
XLOC_004707	ZNF705A	chr12:8325149-8332642	0.00815433	0.00295478	-1.46451	1
XLOC_021335	PTN	chr7:136912091-137028546	0.566968	0.205584	-1.46354	0.104824
XLOC_015122	DOCK3	chr3:50712671-51421629	0.038148	0.0138372	-1.46305	1
XLOC_007012	GOLGA8I	chr15:23255241-23262743	0.0711293	0.0258223	-1.46183	1
XLOC_011654	LOC643669	chr19:39399619-39402798	0.579131	0.210859	-1.45761	0.278484
XLOC_009325	CARD14	chr17:78143790-78194199	0.172522	0.0628299	-1.45726	1
XLOC_001519	RPS15AP10	chr1:46092975-46152302	0.142015	0.0517812	-1.45555	1
XLOC_001434	CSMD2	chr1:33979608-34631443	0.0160288	0.00585621	-1.45263	1
XLOC_001804	CTSS	chr1:150702671-150738433	0.0246897	0.00902565	-1.45181	1
XLOC_009168	EPN3	chr17:48610047-48621111	0.0327218	0.01198	-1.44962	1
XLOC_015885	IGSF11	chr3:118619478-118864898	0.00916797	0.00336442	-1.44625	1
XLOC_017384	PCDHB18	chr5:140613937-140617101	0.0254279	0.0093386	-1.44513	1
XLOC_023955	PGAM4	chrX:77166193-77305892	0.146201	0.0537443	-1.44377	1
XLOC_000265	HPCA	chr1:33352097-33366953	0.167331	0.0616592	-1.44032	1
XLOC_008915	CCDC144C	chr17:20224486-20305504	0.00565474	0.00208837	-1.43708	1
XLOC_016010	GPR87	chr3:150804675-151176497	0.0421726	0.0156141	-1.43346	1
XLOC_021626	SULF1	chr8:70378858-70573147	0.0130704	0.00484099	-1.43293	1
XLOC_013842	RASSF2	chr20:4760668-4804291	0.0144023	0.00534231	-1.43077	1
XLOC_005819	PABPC3	chr13:25670275-25672704	0.0139705	0.00518945	-1.42873	1
XLOC_009839	LOC284080	chr17:48127712-48133103	0.189446	0.0704798	-1.42651	1
XLOC_023598	GLUD2	chrX:120181461-120183796	0.0218224	0.00812412	-1.42552	1
XLOC_023982	ARMCX2	chrX:100910267-100914863	0.128596	0.048024	-1.42102	1
XLOC_006501	COX8C	chr14:93799564-94173689	0.117307	0.0438162	-1.42075	1
XLOC_018497	ARG1	chr6:131894343-131949379	0.0200363	0.00749063	-1.41946	1
XLOC_000516	LOC100129046	chr1:94027342-94312706	0.0346835	0.0129924	-1.41658	1
XLOC_014462	LOC391322	chr22:24373116-24374043	3.17057	1.18771	-1.41656	0.142786
XLOC_003261	LOC650368	chr11:3402190-3430378	0.0751366	0.0281601	-1.41586	1
XLOC_017212	THBS4	chr5:79331169-79379107	0.318302	0.119383	-1.4148	1
XLOC_008892	MYO15A	chr17:18012019-18083116	0.025948	0.00973559	-1.41428	1
XLOC_011211	SMIM17	chr19:57154526-57168614	0.275087	0.103354	-1.41229	1
XLOC_023537	MORF4L2-AS1	chrX:102930425-102947484	0.0993549	0.0373594	-1.41112	1
XLOC_018152	OR2H1	chr6:29426229-29432099	0.0102412	0.00385427	-1.40985	1
XLOC_001978	C1orf192	chr1:161284165-161337673	0.0740872	0.027896	-1.40916	1
XLOC_005781	LOC387895	chr12:127215246-127256808	0.273982	0.103339	-1.4067	1
XLOC_011530	PDE4C	chr19:18318770-18359010	0.146093	0.0551331	-1.40589	1
XLOC_004364	ACY3	chr11:67410025-67418130	0.127314	0.0482011	-1.40125	1
XLOC_017090	LOC643401	chr5:27472398-27496508	0.0329805	0.0124896	-1.40089	1
XLOC_001642	GBP2	chr1:89573309-89591799	0.0108163	0.00410114	-1.39911	1
XLOC_011657	FBXO27	chr19:39514662-39523198	0.117229	0.0445034	-1.39734	1
XLOC_018206	C6orf25	chr6:31691120-31694485	0.0192632	0.00731593	-1.39673	1
XLOC_006877	ADAM20P1	chr14:70935595-70950473	0.147054	0.0558565	-1.39655	1
XLOC_014495	RFPL1	chr22:29833003-29838444	0.0243285	0.00924482	-1.39593	1

XLOC_013090	SH3RF3-AS1	chr2:109743783-110262207	0.0736682	0.0280842	-1.39129	1
XLOC_022660	KCNT1	chr9:138594030-138684993	0.0227282	0.00867598	-1.38939	1
XLOC_013640	NNAT	chr20:36145818-36156333	0.0600072	0.0229449	-1.38696	1
XLOC_015625	SUSD5	chr3:33191536-33260707	0.0460089	0.0175986	-1.38645	1
XLOC_018318	RSPH9	chr6:43612766-43638748	0.227571	0.0874575	-1.37966	1
XLOC_015288	SLC15A2	chr3:121613170-121663034	0.0147243	0.00566468	-1.37813	1
XLOC_022343	LOC158376	chr9:35909479-35911617	0.026382	0.0101523	-1.37775	1
XLOC_016145	C3orf43	chr3:196233749-196242237	0.110263	0.0424389	-1.37748	1
XLOC_008477	ERN2	chr16:23690200-23724821	0.0248588	0.00959625	-1.37321	1
XLOC_017417	MIR143,MIR143H	chr5:148786439-148812399	0.00344613	0.00133128	-1.37217	1
XLOC_006053	MTUS2-AS1	chr13:29598747-30080084	0.171535	0.0663366	-1.37063	1
XLOC_016027	TIPARP-AS1	chr3:156390959-156424557	0.327553	0.126784	-1.36935	1
XLOC_012710	EFHD1	chr2:233470766-233547491	0.0242402	0.00938789	-1.36853	1
XLOC_007290	ADPGK-AS1	chr15:73043707-73090540	0.109253	0.0424532	-1.36373	1
XLOC_014613	PARVG	chr22:44568835-44603035	0.118707	0.0461663	-1.36249	1
XLOC_000811	CASQ1	chr1:160160284-160171676	0.0160811	0.0062762	-1.35741	1
XLOC_000779	HAPLN2	chr1:156589085-156595517	0.0561481	0.0219203	-1.35697	1
XLOC_018197	LST1	chr6:31553955-31560762	0.0861481	0.0336539	-1.35605	1
XLOC_007583	BCL2L10	chr15:52401821-52404972	0.11938	0.0466585	-1.35535	1
XLOC_018826	SPDEF	chr6:34505578-34524110	0.0413911	0.0162016	-1.35318	1
XLOC_012998	M1AP	chr2:74785009-74875164	0.0130219	0.00511102	-1.34926	1
XLOC_009223	KCNH6	chr17:61600694-61626338	0.281036	0.110315	-1.34913	1
XLOC_022534	MORN5	chr9:124922189-124962367	0.0512244	0.020128	-1.34763	1
XLOC_018860	UNC5CL	chr6:40994639-41006938	0.619059	0.243707	-1.34493	0.0695357
XLOC_008124	MT1DP	chr16:56677598-56678853	6.86498	2.71438	-1.33863	0.127354
XLOC_015343	CCRL1	chr3:132276981-132593050	0.03507	0.0139054	-1.33459	1
XLOC_005088	MYO1H	chr12:109826523-109886176	0.0201595	0.00799455	-1.33437	1
XLOC_007605	HSP90AB4P	chr15:58888509-59042177	0.0515511	0.0205007	-1.33033	1
XLOC_011357	DENND1C	chr19:6464259-6481798	0.409734	0.163216	-1.3279	0.342031
XLOC_017316	CCNI2	chr5:132083136-132113561	0.0417175	0.0166196	-1.32777	1
XLOC_001055	TGFB2	chr1:218517537-218617961	0.0147919	0.00589471	-1.32732	1
XLOC_015524	FLJ34208	chr3:194207868-194209274	0.0548528	0.0218786	-1.32605	1
XLOC_020964	DFNA5	chr7:24737973-24797639	0.0145222	0.00581769	-1.31974	1
XLOC_012714	INPP5D	chr2:233925035-234116549	0.219109	0.0877786	-1.31971	1
XLOC_010435	PRTN3	chr19:840984-848175	0.0952544	0.0382194	-1.31748	1
XLOC_022503	ZNF483	chr9:114287446-114362135	0.268276	0.108085	-1.31155	1
XLOC_011934	NLRP12	chr19:54296854-54327648	0.0319071	0.0128716	-1.30968	1
XLOC_009038	GSDMA	chr17:38119225-38134019	0.0169491	0.0068376	-1.30965	1
XLOC_003000	SYNPO2L	chr10:75404643-75415832	0.0226639	0.00914577	-1.30922	1
XLOC_021434	MYOM2	chr8:1993157-2093380	0.0425341	0.0171658	-1.30908	1
XLOC_002713	PNLIPRP1	chr10:118350489-118368686	0.0307824	0.0124287	-1.30843	1
XLOC_016188	HGFAC	chr4:3443725-3451213	0.0458945	0.0185422	-1.30751	1
XLOC_016722	ATP8A1	chr4:42410391-42659122	0.337118	0.136608	-1.30321	1
XLOC_015446	TMEM212	chr3:171561138-171577108	0.0808988	0.0328461	-1.3004	1
XLOC_006797	C14orf182	chr14:50448429-50474238	0.0545243	0.022149	-1.29966	1
XLOC_020329	FLJ44511	chr7:560027-564869	0.118222	0.0480676	-1.29836	1
XLOC_005158	LOC100507066	chr12:122755980-122907116	0.0537739	0.0218713	-1.29787	1
XLOC_018217	C4A,C4B	chr6:31949833-31970458	0.0176332	0.00718608	-1.29502	1
XLOC_007719	CHRNA3	chr15:78857861-78913637	0.189048	0.0773728	-1.28886	1

XLOC_009564	KRT18P55	chr17:26603011-26634408	0.0185627	0.00760023	-1.28829	1
XLOC_014536	NCF4	chr22:37257029-37274059	0.0442124	0.018104	-1.28814	1
XLOC_009722	KRT15	chr17:39669996-39675270	0.0474455	0.0194569	-1.28599	1
XLOC_012597	ALS2CR8	chr2:203776977-203851060	0.203922	0.0837204	-1.28437	1
XLOC_005454	CELA1	chr12:51722226-51740463	0.0626718	0.0257773	-1.28172	1
XLOC_011059	ACPT	chr19:51293671-51298481	0.0664414	0.0273331	-1.28143	1
XLOC_017525	ZNF454	chr5:178368193-178393218	0.0439881	0.0180967	-1.28138	1
XLOC_006209	TEX30	chr13:103418462-103426149	0.227043	0.0934711	-1.28037	1
XLOC_015013	C3orf35	chr3:37440967-37476988	0.283187	0.116661	-1.27943	1
XLOC_001041	FAM71A	chr1:212797788-212800120	0.0146602	0.00604098	-1.27905	1
XLOC_016415	PTPN13	chr4:87515467-87736328	0.00444472	0.0018325	-1.27828	1
XLOC_011986	ZNF835	chr19:57174019-57183123	0.0211928	0.00873821	-1.27816	1
XLOC_002922	LOC399753	chr10:49218158-49239658	0.250229	0.103191	-1.27794	1
XLOC_018942	GUSBP4	chr6:58246158-58287724	0.633506	0.261404	-1.27708	0.381587
XLOC_009783	GFAP	chr17:42982993-42992920	0.0369865	0.015274	-1.27592	1
XLOC_020389	DNAH11	chr7:21582832-21985542	0.00260715	0.00107927	-1.27242	1
XLOC_011573	ZNF724P	chr19:23406606-23433172	0.324019	0.134283	-1.27081	1
XLOC_023718	SNORA36A	chrX:153991030-154005964	6.48791	2.68905	-1.27066	0.890489
XLOC_019110	PBOV1	chr6:138483052-138665800	0.0159073	0.00659972	-1.26921	1
XLOC_004331	EFEMP2	chr11:65627871-65640405	2.62838	1.09215	-1.26701	0.790277
XLOC_017197	IQGAP2	chr5:75699148-76003957	0.00588385	0.00245018	-1.26387	1
XLOC_024176	PNCK	chrX:152935187-152939816	0.123197	0.0514154	-1.2607	1
XLOC_006261	RNASE3	chr14:21359561-21360507	0.0723762	0.0302119	-1.2604	1
XLOC_000483	WDR63	chr1:85527992-85598821	0.123799	0.0518327	-1.25606	1
XLOC_008694	PKD1L2	chr16:81134483-81253975	0.0904658	0.0379765	-1.25226	1
XLOC_016116	UTS2D	chr3:190984943-191116459	0.0284796	0.0119963	-1.24734	1
XLOC_011830	NTF4	chr19:49564396-49567124	1.71201	0.721739	-1.24614	0.164978
XLOC_011063	SIGLEC9	chr19:51628136-51639520	0.133451	0.0562772	-1.24568	1
XLOC_001222	LOC100133445	chr1:2487207-2495267	1.9095	0.806124	-1.24412	0.740566
XLOC_004534	TMPRSS5	chr11:113558267-113577068	0.44971	0.189853	-1.24411	0.221615
XLOC_020677	SPDYE2L	chr7:102178365-102213068	0.0347474	0.0146747	-1.24357	1
XLOC_020732	LEP	chr7:127881330-127897682	0.023851	0.0100785	-1.24276	1
XLOC_004670	PLEKHG6	chr12:6419601-6437672	0.0287417	0.0121525	-1.24189	1
XLOC_013044	ASTL	chr2:96789588-96804175	0.141846	0.060245	-1.23541	1
XLOC_008623	TPPP3	chr16:67423711-67427421	0.182147	0.0775744	-1.23145	1
XLOC_001755	ANKRD20A12P	chr1:142697420-142713605	0.710824	0.302865	-1.23082	0.0864363
XLOC_016888	SEC24B-AS1	chr4:110351118-110461615	0.615845	0.26257	-1.22987	0.905545
XLOC_006872	LOC100289511	chr14:70232999-70238722	0.131272	0.056091	-1.22672	1
XLOC_006638	AMN	chr14:103388992-103397179	0.154369	0.0659866	-1.22614	1
XLOC_003371	GAS2	chr11:22688159-22834547	0.0670316	0.0287562	-1.22097	1
XLOC_010049	MYADML2	chr17:79897520-79905109	0.0746312	0.0320813	-1.21805	1
XLOC_001880	DCST2	chr1:154991002-155006257	0.131348	0.0564836	-1.21749	1
XLOC_015233	PDCL3P4	chr3:101431277-101432260	0.19475	0.0839678	-1.21371	1
XLOC_008028	RRN3P2	chr16:29086162-29128038	0.101684	0.0439114	-1.21143	1
XLOC_018589	PLG	chr6:161123224-161175085	0.0292099	0.0126314	-1.20944	1
XLOC_009216	EFCAB3	chr17:60447578-60493839	0.478817	0.207779	-1.20442	0.180595
XLOC_018642	MAK	chr6:10762955-10838788	0.12293	0.0533983	-1.20297	1
XLOC_013107	RGPD8	chr2:113125945-113191222	0.109092	0.0474976	-1.19962	1
XLOC_023199	ENTPD8	chr9:140317846-140335901	0.277042	0.120816	-1.19729	1

XLOC_014787	SYN3	chr22:32908539-33454377	0.0172701	0.00754512	-1.19466	1
XLOC_000352	SNORD55	chr1:45241245-45244412	636.833	278.732	-1.19203	0.905545
XLOC_014835	SNORD83B	chr22:39708886-39715670	136.083	59.6111	-1.19084	0.905545
XLOC_002935	AGAP7	chr10:51464150-51486327	0.418239	0.183782	-1.18633	0.185432
XLOC_005897	CTAGE10P	chr13:50464544-50467516	0.0168592	0.0074091	-1.18616	1
XLOC_003730	MYO7A	chr11:76839309-76926286	0.148588	0.065327	-1.18557	1
XLOC_020795	TAS2R5	chr7:141490016-141491166	0.459538	0.202041	-1.18553	0.403093
XLOC_008262	ATP2C2	chr16:84402132-84497793	0.073083	0.0321344	-1.18542	1
XLOC_011620	LINC00665	chr19:36803962-36822620	0.0626827	0.0275644	-1.18526	1
XLOC_022341	FP588	chr9:35860270-35865515	0.150878	0.0663484	-1.18525	1
XLOC_016445	LOC256880	chr4:100871635-100873620	0.157199	0.0693717	-1.18017	1
XLOC_002856	LINC00202-1	chr10:27220134-27230930	0.15487	0.0684791	-1.17732	1
XLOC_013549	LOC100270804	chr20:18768614-18776709	0.395682	0.175192	-1.17541	0.205834
XLOC_020334	GPR146	chr7:1036622-1177893	4.7559	2.10705	-1.17449	0.713997
XLOC_017380	PCDHB11	chr5:140579347-140582618	0.429685	0.190424	-1.17407	0.163304
XLOC_019174	PARK2	chr6:161768589-163745505	0.047723	0.0211583	-1.17346	1
XLOC_009286	MYO15B	chr17:73584138-73663269	0.481721	0.213708	-1.17255	0.6523
XLOC_017222	ATP6AP1L	chr5:81601165-81614147	1.37702	0.611707	-1.17064	0.274831
XLOC_018240	B3GALT4	chr6:33244916-33246602	0.33711	0.149778	-1.17039	1
XLOC_008195	CDH3	chr16:68678150-68732957	0.197948	0.0880574	-1.16861	1
XLOC_004886	FLJ12825	chr12:54452037-54516018	0.177257	0.078967	-1.16652	1
XLOC_006356	GPR137C	chr14:53019865-53104431	0.128763	0.0574176	-1.16515	1
XLOC_010460	LOC100288123	chr19:1815244-1848452	0.158333	0.0706539	-1.16412	1
XLOC_007510	PLCB2	chr15:40580097-40600174	0.187262	0.0836172	-1.16319	1
XLOC_015718	MST1	chr3:49721379-49726196	1.67778	0.750837	-1.15998	0.057213
XLOC_013573	FAM182A	chr20:26035249-26067553	0.035534	0.0159473	-1.15588	1
XLOC_020984	HOXA13	chr7:27236498-27239725	0.856439	0.384503	-1.15536	0.126736
XLOC_001507	BEST4	chr1:45249256-45253426	0.0654198	0.0294495	-1.15149	1
XLOC_004696	C1S	chr12:7167979-7178335	0.394711	0.178005	-1.14887	0.127654
XLOC_014115	JAM2	chr21:27011593-27089874	0.0663218	0.029916	-1.14856	1
XLOC_004555	SCN4B	chr11:118004091-118023630	0.099592	0.0449976	-1.14618	1
XLOC_010022	AATK	chr17:79008946-79156964	0.499444	0.225734	-1.1457	0.815894
XLOC_005275	LINC00612	chr12:9208184-9217666	0.035764	0.0161698	-1.14521	1
XLOC_011872	SYT3	chr19:51125233-51143092	0.0639823	0.0289407	-1.14457	1
XLOC_018831	TULP1	chr6:35465650-35480647	0.0697834	0.0316029	-1.14283	1
XLOC_005180	TMEM132B	chr12:125811161-126143589	0.0170089	0.00770812	-1.14184	1
XLOC_016975	CTSO	chr4:156845269-156875048	0.330498	0.15006	-1.1391	1
XLOC_017842	LRRTM2	chr5:138089106-138270723	0.0156039	0.00709609	-1.13681	1
XLOC_020797	MGAM	chr7:141695678-141806547	0.0327003	0.0148845	-1.13549	1
XLOC_018567	CLDN20	chr6:155411422-155635617	0.0443081	0.0201759	-1.13494	1
XLOC_011994	ZNF154	chr19:58211809-58220579	0.0382467	0.0174179	-1.13477	1
XLOC_018647	ADTRP	chr6:11713887-11779280	0.432389	0.197011	-1.13406	0.226921
XLOC_011001	FUT2	chr19:49199227-49209191	0.192412	0.0878463	-1.13114	1
XLOC_016798	PPEF2	chr4:76781025-76823681	0.0482994	0.0220568	-1.13078	1
XLOC_015866	GCSAM	chr3:111839687-111852152	0.268828	0.122874	-1.12951	1
XLOC_004706	CLEC4A	chr12:8276227-8291203	0.732409	0.334964	-1.12864	0.191481
XLOC_010241	CCDC102B	chr18:66382490-66722426	0.0665302	0.0304811	-1.12609	1
XLOC_011075	LINC00085	chr19:52196592-52208443	0.619862	0.28448	-1.12362	0.194669
XLOC_014182	FAM3B	chr21:42688660-42729654	0.216773	0.0996001	-1.12196	1

XLOC_020657	EPO	chr7:100318422-100321323	0.13567	0.0623487	-1.12167	1
XLOC_021907	FLJ14107	chr8:22462144-22526661	0.0431737	0.0199269	-1.11544	1
XLOC_015192	LOC401074	chr3:75721431-75728454	0.196878	0.0910374	-1.11277	1
XLOC_017712	DMGDH	chr5:78293428-78365449	0.0178955	0.0082906	-1.11005	1
XLOC_012272	TCF7L1	chr2:85360582-85537511	0.0749827	0.0347397	-1.10997	1
XLOC_018783	TNXB	chr6:32006092-32077151	0.0293589	0.0136053	-1.10962	1
XLOC_010037	PDE6G	chr17:79617488-79623607	0.0668095	0.0310058	-1.10752	1
XLOC_011518	USHBP1	chr19:17360848-17375544	0.0220394	0.0102346	-1.10663	1
XLOC_000030	CALML6	chr1:1846265-1848733	0.186127	0.0864827	-1.1058	1
XLOC_005686	FOXN4	chr12:109715782-109747025	0.0513101	0.0238513	-1.10517	1
XLOC_017427	MYOZ3	chr5:150040402-150058930	0.0276288	0.012856	-1.10374	1
XLOC_017413	ABLIM3	chr5:148521053-148639999	0.0261013	0.0121464	-1.10359	1
XLOC_016330	ARL9	chr4:57371374-57390058	0.134363	0.0625501	-1.10305	1
XLOC_013513	LOC728228	chr20:4173736-4176600	0.122727	0.0571716	-1.10209	1
XLOC_012532	HOXD1	chr2:177037923-177055635	0.10206	0.0475859	-1.10081	1
XLOC_015599	RFTN1	chr3:16357351-16555222	0.0196478	0.00916531	-1.10011	1
XLOC_015642	EIF1B-AS1	chr3:39851302-40353915	0.0997178	0.0465465	-1.09918	1
XLOC_013991	TP53TG5	chr20:43990576-44039250	0.862942	0.403051	-1.0983	0.883459
XLOC_005284	CLEC2B	chr12:10004967-10022458	0.242464	0.113257	-1.09817	1
XLOC_011100	ZNF813	chr19:53970988-53997546	0.00749192	0.00350736	-1.09495	1
XLOC_013191	ACVR1C	chr2:158383278-158485399	0.0101029	0.00473293	-1.09396	1
XLOC_001960	CD84	chr1:160510883-160549306	0.00417422	0.00195724	-1.09269	1
XLOC_009312	TMC8	chr17:76108998-76139049	0.177634	0.0833076	-1.09239	1
XLOC_021094	CALN1	chr7:71244475-71877360	0.00395815	0.00186151	-1.08835	1
XLOC_002911	ANXA8	chr10:47157983-47174143	0.0313738	0.0147659	-1.08729	1
XLOC_018591	PACRG	chr6:161768589-163745505	0.0286293	0.013482	-1.08646	1
XLOC_014337	PLAC4	chr21:42539727-42648524	0.0984471	0.0464309	-1.08426	1
XLOC_020449	LOC100506776	chr7:38381177-38418238	0.0101127	0.00477235	-1.0834	1
XLOC_024152	LOC100131434	chrX:148609131-148621312	0.0473668	0.0223629	-1.08277	1
XLOC_013240	CHN1	chr2:175664041-175870107	0.0708454	0.0334806	-1.08135	1
XLOC_023963	RPS6KA6	chrX:83313353-83442943	0.00378038	0.00178674	-1.0812	1
XLOC_023275	CA5B	chrX:15756411-15805748	0.801002	0.379388	-1.07813	0.0813147
XLOC_000863	TBX19	chr1:168250277-168283664	0.56329	0.26686	-1.0778	0.15618
XLOC_014623	LOC730668	chr22:46402495-46406657	0.0386138	0.0182978	-1.07745	1
XLOC_017352	PSD2	chr5:139175405-139224048	0.00985611	0.00467732	-1.07534	1
XLOC_019201	LINC00242	chr6:170188885-170202969	0.565406	0.268359	-1.07512	0.254699
XLOC_008344	MEIOB	chr16:1877224-1922179	0.0192562	0.00914512	-1.07425	1
XLOC_004798	FGD4	chr12:32655040-32798984	0.0899497	0.0427313	-1.07383	1
XLOC_022368	AQP7P3	chr9:42844369-42893137	0.764654	0.363266	-1.07378	0.491486
XLOC_006426	LOC145474	chr14:71954577-71956420	0.0187367	0.00891536	-1.0715	1
XLOC_021514	LOC100507156	chr8:23154409-23261722	0.00910486	0.00433269	-1.07137	1
XLOC_016992	DDX60	chr4:169137441-169239958	0.255725	0.121704	-1.07122	1
XLOC_013252	LOC100130691	chr2:178148235-178257419	0.120196	0.0572269	-1.07062	1
XLOC_018665	KIAA0319	chr6:24544331-24646383	0.0825002	0.0393067	-1.06962	1
XLOC_001772	NBPF11,NBPF24	chr1:146032541-146082765	0.0191917	0.00914573	-1.06931	1
XLOC_001686	AKNAD1	chr1:109358519-109401146	0.0579102	0.0276001	-1.06915	1
XLOC_004559	MPZL2	chr11:118124130-118135251	0.0129171	0.00615826	-1.06868	1
XLOC_023512	SRPX2	chrX:99899162-99926296	0.0176868	0.00845448	-1.06489	1
XLOC_021370	LOC154761	chr7:143509060-143533810	1.89734	0.909141	-1.0614	0.0523053

XLOC_007627	RBPMS2	chr15:65032094-65067770	0.0592372	0.0284776	-1.05667	1
XLOC_000235	RNU11	chr1:28975111-28975246	50.6798	24.3935	-1.05491	0.457462
XLOC_017988	COL23A1	chr5:177664616-178017556	0.0190815	0.00918764	-1.05441	1
XLOC_007517	PPP1R14D	chr15:41107642-41120907	0.0723328	0.034862	-1.05299	1
XLOC_005496	LOC100240735	chr12:54452037-54516018	0.0539424	0.0260467	-1.05032	1
XLOC_015188	EBLN2	chr3:73046118-73115011	0.121699	0.0587916	-1.04963	1
XLOC_010196	LIPG	chr18:47088426-47119278	0.0727786	0.0351801	-1.04875	1
XLOC_017993	ADAMTS2	chr5:178537851-178772431	0.0831493	0.0402393	-1.0471	1
XLOC_004479	MAML2	chr11:95711439-96076344	0.0171094	0.00828415	-1.04636	1
XLOC_003133	LOC100505933	chr10:111705316-111895323	0.0888189	0.0430785	-1.0439	1
XLOC_012443	GPR39	chr2:133174146-133429070	0.0603912	0.0293367	-1.04163	1
XLOC_005546	DDIT3	chr12:57881735-57914300	110.028	53.4514	-1.04157	0.145921
XLOC_011154	CACNG7	chr19:54415990-54446969	0.874636	0.425139	-1.04075	0.243499
XLOC_018524	ECT2L	chr6:139117247-139225207	0.0991296	0.0483758	-1.03503	1
XLOC_003227	DRD4	chr11:637304-640705	1.87486	0.91546	-1.03421	0.379543
XLOC_017356	SLC4A9	chr5:139739786-139754722	0.0961405	0.0469693	-1.03343	1
XLOC_007284	HEXA-AS1	chr15:72635777-72671129	0.0580609	0.0283662	-1.0334	1
XLOC_003423	PRDM11	chr11:45115563-45256675	0.333196	0.162829	-1.03301	1
XLOC_011369	LOC100128573	chr19:7537722-7538247	0.11886	0.0581834	-1.03059	1
XLOC_007566	SHC4	chr15:49115933-49255641	0.0221839	0.010886	-1.02704	1
XLOC_010137	CYP4F35P	chr18:14337421-14342523	0.349254	0.1714	-1.02691	1
XLOC_014362	TSPEAR	chr21:45917774-46131495	0.0317861	0.0156297	-1.0241	1
XLOC_003945	IRF7	chr11:612554-615999	0.0369043	0.018165	-1.02262	1
XLOC_017920	HAVCR2	chr5:156512842-156536248	0.0536773	0.0264418	-1.02149	1
XLOC_011053	MYBPC2	chr19:50936159-50969583	0.0791092	0.0390171	-1.01974	1
XLOC_002780	CYP2E1	chr10:135340866-135352620	2.18076	1.07601	-1.01914	0.0576107
XLOC_002053	ANGPTL1	chr1:178694299-178889237	0.015801	0.00780901	-1.0168	1
XLOC_022843	ANKRD18A	chr9:38571360-38620360	0.486572	0.240601	-1.01601	0.107753
XLOC_009174	TOB1-AS1	chr17:48939586-48945732	0.898779	0.444469	-1.01588	0.867291
XLOC_001713	LOC100129269	chr1:112141628-112150940	0.105145	0.0520429	-1.0146	1
XLOC_007340	KIAA1024	chr15:79724857-79764642	0.214899	0.106527	-1.01244	1
XLOC_016405	BMP3	chr4:81952118-81978685	0.0788896	0.0391645	-1.01029	1
XLOC_015728	LUST	chr3:50126340-50156397	0.0962078	0.0477956	-1.00928	1
XLOC_022770	LRRC19	chr9:26903367-27062931	0.0137185	0.00682369	-1.0075	1
XLOC_004493	MMP3	chr11:102654406-102714342	0.0238941	0.0118956	-1.00623	1
XLOC_000766	SYT11	chr1:155829259-155854990	0.00896851	0.00447445	-1.00316	1
XLOC_009577	PROCA1	chr17:27030533-27038872	0.950413	0.474704	-1.00153	0.270224
XLOC_000935	PRG4	chr1:185703682-186446655	0.0492253	0.0246195	-0.999598	1
XLOC_012848	CCDC121	chr2:27848505-27917847	0.24251	0.1213	-0.999467	1
XLOC_017119	LOC153684	chr5:43042235-43045370	0.114432	0.0572381	-0.999438	1
XLOC_003820	TEX12	chr11:112038094-112043279	0.182448	0.0913846	-0.997462	1
XLOC_003015	ZMIZ1-AS1	chr10:80703082-80827205	0.0480882	0.0241167	-0.995651	1
XLOC_001597	DIRAS3	chr1:68167148-68698284	0.238961	0.119848	-0.995564	1
XLOC_003358	LDHC	chr11:18433852-18472793	0.0839509	0.0421125	-0.995298	1
XLOC_022491	LOC286367	chr9:107536632-107540045	0.600774	0.30139	-0.995191	0.129159
XLOC_024103	CXorf48	chrX:134290460-134305751	0.0273975	0.0137496	-0.994656	1
XLOC_001305	MST1L	chr1:17081128-17090975	0.438857	0.220291	-0.994342	0.145411
XLOC_002143	LEMD1	chr1:205342379-205391214	0.039356	0.0197699	-0.993278	1
XLOC_008917	LOC100287072	chr17:20615758-20641178	0.0241082	0.0121116	-0.99313	1

XLOC_005302	PRH1,PRR4	chr12:10998447-11328619	2.62749	1.32413	-0.988637	0.795289
XLOC_007982	SNX29P1	chr16:21360683-21397254	0.181134	0.0914122	-0.986602	1
XLOC_020960	KLHL7-AS1	chr7:23140846-23145322	0.0652908	0.032959	-0.986209	1
XLOC_017652	CDC20B	chr5:54408798-54469005	0.0223576	0.0112905	-0.98566	1
XLOC_011372	PCP2	chr19:7694670-7698634	0.724971	0.36642	-0.984427	0.912368
XLOC_007281	THSD4	chr15:71433787-72075722	0.143295	0.0725972	-0.981004	1
XLOC_017717	CRSP8P	chr5:79646423-79647785	0.0514647	0.0260737	-0.980986	1
XLOC_009134	EFCAB13	chr17:45401326-45518677	0.0185425	0.00939941	-0.980191	1
XLOC_005649	DEPDC4	chr12:100646041-100660857	0.294192	0.149146	-0.980037	1
XLOC_005237	SCNN1A	chr12:6456008-6500737	1.13115	0.575549	-0.974782	0.853083
XLOC_004967	TBC1D30	chr12:65218351-65274798	0.0856284	0.0435723	-0.974676	1
XLOC_000883	DNM3	chr1:171810620-172381857	0.0171184	0.00871264	-0.974363	1
XLOC_021129	FDPSL2A	chr7:76090971-76135312	0.0325616	0.0165731	-0.974329	1
XLOC_005672	LOC100505978	chr12:106751435-107283094	0.0795957	0.0406042	-0.971059	1
XLOC_013731	FAM209B	chr20:55108301-55111574	1.13662	0.580011	-0.970596	0.430376
XLOC_010321	LOC100652770	chr18:29078026-29136874	0.0814966	0.041605	-0.969984	1
XLOC_004865	SOAT2	chr12:53497273-53518323	0.0764485	0.0390808	-0.968029	1
XLOC_023141	SARDH	chr9:136528683-136605077	0.495825	0.253628	-0.967116	0.249574
XLOC_014823	KCNJ4	chr22:38822332-38851205	0.0588314	0.0301035	-0.966657	1
XLOC_013237	GPR155	chr2:175296299-175351816	0.34943	0.17893	-0.965606	1
XLOC_005226	NRIP2	chr12:2934513-2944221	0.15823	0.0810718	-0.964753	1
XLOC_014424	TMEM191A	chr22:21055401-21058891	1.03283	0.529449	-0.964037	0.241921
XLOC_023198	EXD3	chr9:140201347-140317714	2.87157	1.47278	-0.963295	0.0533774
XLOC_011829	CGB7	chr19:49557530-49558997	0.731067	0.375283	-0.962027	0.592157
XLOC_008523	ZNF785	chr16:30591993-30597092	2.03158	1.04312	-0.961689	0.0515699
XLOC_002288	C1orf229	chr1:247273461-247275719	0.591091	0.30373	-0.960593	0.416627
XLOC_022669	KIAA1984	chr9:139690789-139735639	0.219966	0.113098	-0.959705	1
XLOC_000317	SLFNL1-AS1	chr1:41480261-41707815	0.167929	0.0863773	-0.959125	1
XLOC_018491	C6orf58	chr6:127898318-127912963	0.0920068	0.0473509	-0.958349	1
XLOC_015530	MUC20	chr3:195447752-195464540	0.0444506	0.0228931	-0.957293	1
XLOC_008183	TSNAXIP1	chr16:67841009-67861971	0.137481	0.0708687	-0.956012	1
XLOC_001333	KIF17	chr1:20990506-21044317	0.629774	0.325396	-0.952637	0.1743
XLOC_013643	VSTM2L	chr20:36531498-36573747	0.102293	0.0528705	-0.952172	1
XLOC_010388	CCBE1	chr18:57098170-57364644	0.0124412	0.00643162	-0.951874	1
XLOC_010971	NAPA-AS1	chr19:47987538-48018515	4.16692	2.15542	-0.951011	0.850951
XLOC_020560	TRIM74	chr7:75024902-75034888	0.775647	0.40156	-0.949784	0.410554
XLOC_003352	MRGPRX3	chr11:18142501-18160027	0.118396	0.0615575	-0.943612	1
XLOC_011338	TINCR	chr19:5558177-5568005	0.255575	0.133028	-0.942017	1
XLOC_008771	SPNS2	chr17:4402128-4458681	0.913015	0.475589	-0.940924	0.91609
XLOC_002583	IFIT1	chr10:91152302-91166244	0.126902	0.0662164	-0.938458	1
XLOC_005249	PIANP	chr12:6802956-6810009	0.123484	0.0644991	-0.936979	1
XLOC_022118	FBXO43	chr8:101145587-101158099	0.135331	0.0707274	-0.936147	1
XLOC_001367	LOC646471	chr1:26146396-26159433	0.28119	0.147091	-0.934837	1
XLOC_008482	IL21R-AS1	chr16:27413482-27464714	0.0432616	0.0226331	-0.934654	1
XLOC_018163	HLA-J	chr6:29968787-30028961	1.60119	0.838806	-0.932739	0.539689
XLOC_012637	CXCR2	chr2:218990012-219001976	0.0265791	0.0139493	-0.930099	1
XLOC_004888	LOC400043	chr12:54519854-54526626	0.158092	0.0830359	-0.928957	1
XLOC_014574	GRAP2	chr22:40297085-40367384	0.0593844	0.0311981	-0.928628	1
XLOC_000259	TSSK3	chr1:32827861-32829924	1.60135	0.842336	-0.92682	0.209577

XLOC_012995	DQX1	chr2:74745257-74753408	0.0333961	0.0175823	-0.925556	1
XLOC_016838	HSD17B13	chr4:88224940-88244056	0.0525028	0.0276487	-0.925183	1
XLOC_009658	PLXDC1	chr17:37213271-37307902	0.100408	0.0529468	-0.923265	1
XLOC_000962	C1orf106	chr1:200860626-200884864	0.202864	0.106985	-0.923111	1
XLOC_020875	LOC100132707	chr7:154720226-154794682	0.763474	0.402749	-0.922698	0.824372
XLOC_021476	KIAA1456	chr8:12803182-12887284	0.012256	0.0064664	-0.922451	1
XLOC_008258	NECAB2	chr16:84002236-84036379	0.352562	0.186059	-0.922114	1
XLOC_008274	FLJ30679	chr16:86588925-86590905	0.167156	0.088259	-0.921383	1
XLOC_023697	SRPK3	chrX:153046455-153051187	0.0694365	0.0366909	-0.920273	1
XLOC_015379	TRPC1	chr3:142443265-142526729	0.172771	0.091395	-0.918677	1
XLOC_016872	SLC9B1	chr4:103790134-103940896	0.301819	0.159673	-0.918563	1
XLOC_023015	SLC46A2	chr9:115641199-115653193	0.0250766	0.0132974	-0.915196	1
XLOC_021810	ZNF252P-AS1	chr8:146198974-146231432	0.152803	0.0810738	-0.914362	1
XLOC_010338	LINC00669	chr18:36786887-37331959	0.383068	0.203545	-0.912255	0.319848
XLOC_018749	CDSN	chr6:31082607-31107869	0.12478	0.0663402	-0.911429	1
XLOC_021867	DEFB134	chr8:11851488-11853760	0.529917	0.281739	-0.911408	1
XLOC_021147	TP53TG1	chr7:86954663-86974808	6.095	3.24065	-0.911342	0.12195
XLOC_017033	CCDC110	chr4:186350544-186392913	0.104588	0.0556556	-0.910122	1
XLOC_014589	CSDC2	chr22:41957013-41972670	0.059065	0.0314343	-0.909966	1
XLOC_012698	B3GNT7	chr2:232260334-232265875	0.159821	0.0853039	-0.905777	1
XLOC_002761	CTAGE7P	chr10:131862161-131909081	0.0720842	0.0384902	-0.905193	1
XLOC_008786	ZFP3	chr17:4981753-4999669	0.0384002	0.0205132	-0.904562	1
XLOC_001773	LOC728989	chr1:146490894-146514599	0.055262	0.0295404	-0.903599	1
XLOC_007685	SEMA7A	chr15:74701629-74726299	0.204979	0.109607	-0.90314	1
XLOC_015464	SOX2	chr3:180774467-181460013	0.076326	0.0408361	-0.90233	1
XLOC_007558	DUOX2	chr15:45384851-45406359	0.00905164	0.00485415	-0.898961	1
XLOC_021364	KEL	chr7:142638200-142659503	0.022492	0.0120813	-0.896636	1
XLOC_001594	C1orf141	chr1:67557858-67600654	0.0215998	0.011628	-0.893424	1
XLOC_013253	TTC30B	chr2:178414880-178417524	0.223953	0.120717	-0.891573	1
XLOC_011940	TMC4	chr19:54663833-54676944	0.913244	0.492405	-0.891156	0.268917
XLOC_007619	LOC100130855	chr15:63796709-63894620	0.436461	0.235345	-0.891074	0.937401
XLOC_018208	HSPA1A	chr6:31783290-31785719	2.69163	1.45208	-0.890353	0.0949082
XLOC_009419	VMO1	chr17:4688579-4689729	1.16448	0.62842	-0.889885	0.507856
XLOC_007111	GOLGA8T	chr15:30427989-30439395	0.219685	0.118562	-0.889803	1
XLOC_008588	PLLP	chr16:57290008-57318584	1.41823	0.766404	-0.887913	0.296679
XLOC_021793	KIAA1875	chr8:145162628-145173218	0.149203	0.080678	-0.887032	1
XLOC_024181	ARHGAP4	chrX:153172829-153191714	0.355919	0.192494	-0.886734	1
XLOC_012059	FAM84A	chr2:14772809-14780168	0.0055667	0.00301751	-0.883461	1
XLOC_015222	TMEM30C	chr3:99904667-99913030	0.0949803	0.0514987	-0.883092	1
XLOC_012327	C2orf15	chr2:99613723-99771187	1.197	0.649128	-0.882843	0.292
XLOC_008062	CTF1	chr16:30907927-30914881	0.786128	0.427104	-0.880179	0.479652
XLOC_004508	GUCY1A2	chr11:106544737-106889171	0.00111966	0.00060839	-0.879993	1
XLOC_017354	IGIP	chr5:139505520-139508391	0.922903	0.502098	-0.878211	0.127354
XLOC_006880	MAP3K9	chr14:71194853-71275888	0.486586	0.26478	-0.877902	0.185432
XLOC_002436	FAM35BP	chr10:46897640-46939145	0.00837915	0.00455992	-0.877797	1
XLOC_022982	ALDOB	chr9:104182841-104198062	0.0977061	0.0531836	-0.877469	1
XLOC_022376	ANKRD20A1,ANK	chr9:67926760-67970293	0.0123495	0.00672393	-0.877078	1
XLOC_004658	PRMT8	chr12:3490514-3703138	0.917414	0.499653	-0.876647	0.213391
XLOC_022716	RLN2	chr9:5299865-5304611	0.0787451	0.0429027	-0.87612	1

XLOC_008782	GP1BA	chr17:4835591-4838325	0.252046	0.13734	-0.875931	1
XLOC_005332	C12orf69	chr12:14956505-14976791	0.0322495	0.017578	-0.87551	1
XLOC_004439	RAB30	chr11:82692477-82782884	0.319357	0.174111	-0.875166	1
XLOC_010358	SMAD7	chr18:46446222-46477081	3.41369	1.8615	-0.874864	0.0596515
XLOC_008049	MYLPF	chr16:30386122-30389310	0.192752	0.105127	-0.874613	1
XLOC_012598	NBEAL1	chr2:203879601-204082717	0.0580267	0.0316516	-0.874437	1
XLOC_010909	ZNF221	chr19:44455396-44471752	0.124953	0.0682133	-0.873266	1
XLOC_002435	GLUD1P7	chr10:46764667-46768346	0.00510086	0.00278611	-0.872491	1
XLOC_011912	ZNF614	chr19:52516576-52531680	0.23907	0.130654	-0.871684	1
XLOC_000937	OCLM	chr1:185703682-186446655	0.195656	0.106949	-0.871399	1
XLOC_018945	EYS	chr6:64429875-66417118	0.0129314	0.00707384	-0.87031	1
XLOC_010473	ZNF555	chr19:2841432-2860472	0.54282	0.297138	-0.869338	0.0580068
XLOC_004777	SSPN	chr12:26348268-26387708	0.00457743	0.00250686	-0.868655	1
XLOC_011629	ZNF829	chr19:37288451-37407193	0.0083464	0.00457442	-0.867566	1
XLOC_008280	ZNF469	chr16:88493878-88507165	0.0124077	0.00680272	-0.867057	1
XLOC_022934	OGN	chr9:95059639-95432547	0.00642999	0.00352572	-0.866897	1
XLOC_010162	DSG3	chr18:29027731-29058665	0.0226913	0.0124439	-0.866699	1
XLOC_017232	GPR98	chr5:89854616-90460033	0.00138044	0.00075758	-0.865653	1
XLOC_021285	RNF133	chr7:121958477-122526813	0.0141729	0.00778077	-0.865146	1
XLOC_016484	MYOZ2	chr4:120056938-120108944	0.00669356	0.00367563	-0.864783	1
XLOC_009826	HOXB13	chr17:46802126-46806111	1.04603	0.574452	-0.864671	0.179176
XLOC_012664	SPEG	chr2:220299699-220358354	0.0168173	0.00923858	-0.864204	1
XLOC_008158	BEAN1	chr16:66461199-66527432	0.201411	0.110752	-0.862812	1
XLOC_003968	H19.MIR675	chr11:2016405-2019065	2.45206	1.34845	-0.862696	0.229719
XLOC_000785	LRRRC71	chr1:156890423-156902880	0.547477	0.301097	-0.862571	0.440962
XLOC_016400	LOC100506035	chr4:80413746-80497614	0.00976473	0.00537398	-0.861589	1
XLOC_013311	ALS2CR11	chr2:202352143-202483905	0.0110794	0.00609832	-0.8614	1
XLOC_011984	ZNF582	chr19:56894647-56904889	0.0275649	0.0151753	-0.861107	1
XLOC_016735	TEC	chr4:48137799-48271814	1.00761	0.55473	-0.861085	0.0981523
XLOC_012292	PLGLB2	chr2:88047605-88285309	0.00634653	0.00349773	-0.859547	1
XLOC_018663	DCDC2	chr6:24171982-24383520	0.948618	0.522925	-0.859224	0.0832671
XLOC_018839	PXT1	chr6:36358328-36458315	0.0161348	0.00889619	-0.858916	1
XLOC_024117	MCF2	chrX:138663929-138790381	0.00491992	0.00271331	-0.858579	1
XLOC_002755	FANK1	chr10:127585107-127698161	0.937067	0.517224	-0.857363	0.335344
XLOC_016660	FLJ36777	chr4:7099150-7105103	0.0458021	0.0252936	-0.856642	1
XLOC_003746	LOC100506368	chr11:86666662-86711989	0.28363	0.156654	-0.856425	1
XLOC_000047	LOC100133612	chr1:3816967-3832011	0.121255	0.0670486	-0.85476	1
XLOC_005273	MFAP5	chr12:8798539-8815433	0.0069666	0.00385276	-0.85456	1
XLOC_023911	EDA2R	chrX:65815481-65859140	0.0061121	0.0033816	-0.853964	1
XLOC_021389	ZNF467	chr7:149461452-149470295	1.99784	1.10558	-0.853635	0.239441
XLOC_004566	RPL23AP64	chr11:118868851-118889057	0.296086	0.163941	-0.852836	1
XLOC_008074	ITGAX	chr16:31366508-31394318	1.6108	0.892515	-0.851827	0.0605998
XLOC_009269	RAB37	chr17:72667255-72743474	0.141701	0.0785239	-0.851645	1
XLOC_016262	LOC285540	chr4:25162293-25200127	0.0193507	0.010725	-0.851406	1
XLOC_004623	KCNJ1	chr11:128707908-128737268	0.00761377	0.00421998	-0.851375	1
XLOC_014752	RFPL1-AS1	chr22:29833003-29838444	0.00999176	0.00554436	-0.849717	1
XLOC_001247	TNFRSF9	chr1:7975930-8003225	0.00341887	0.00189744	-0.849468	1
XLOC_013309	ALS2CR12	chr2:202153146-202222101	0.0234358	0.0130126	-0.848802	1
XLOC_004846	METTL7A	chr12:51318533-51326300	0.00703482	0.00390608	-0.848793	1

XLOC_023079	SNORA65	chr9:130209952-130213711	7.55343	4.19533	-0.848347	0.934251
XLOC_014418	LOC150197	chr22:20193854-20196060	0.299703	0.166508	-0.847939	1
XLOC_008669	PMFBP1	chr16:72152995-72206349	0.076355	0.0424238	-0.847846	1
XLOC_005213	SLC6A12	chr12:299242-323371	0.123629	0.068739	-0.846811	1
XLOC_001624	C1orf180	chr1:85093912-85100703	0.00718461	0.00399555	-0.846515	1
XLOC_005447	FAM186A	chr12:50721094-50790405	0.00399646	0.00222414	-0.845476	1
XLOC_012343	IL18RAP	chr2:103035253-103069024	0.00714142	0.00397592	-0.844921	1
XLOC_008556	MYLK3	chr16:46736193-46782221	0.00506322	0.00282338	-0.842631	1
XLOC_018961	COL12A1	chr6:75794041-75915623	0.0036574	0.00203952	-0.842586	1
XLOC_013528	SNAP25	chr20:10004459-10288066	0.0099949	0.00557396	-0.842489	1
XLOC_007114	ARHGAP11B	chr15:30918878-30931013	1.16817	0.651604	-0.842187	0.352286
XLOC_005199	EP400NL	chr12:132568827-132610885	0.449121	0.250649	-0.841437	0.530183
XLOC_021711	ZFPM2	chr8:106331146-106816767	0.00434803	0.0024273	-0.841007	1
XLOC_023452	DGAT2L6	chrX:69397335-69425553	0.0135429	0.00756462	-0.840195	1
XLOC_002075	FAM129A	chr1:184760165-184943682	0.00289376	0.00161659	-0.83999	1
XLOC_020881	LINC00244	chr7:156333184-156333795	0.0514838	0.0287734	-0.839382	1
XLOC_017373	PCDHB6	chr5:140529838-140532868	0.00900933	0.00503861	-0.838394	1
XLOC_019124	LOC285740	chr6:143875466-143890476	0.0105017	0.00587723	-0.837416	1
XLOC_007813	HBA2	chr16:222845-223709	0.362009	0.202608	-0.837334	1
XLOC_017312	C5orf56	chr5:131746464-131811736	1.10838	0.620542	-0.836851	0.538721
XLOC_011577	HAVCR1P1	chr19:24344994-24346249	0.0580762	0.0325214	-0.836557	1
XLOC_004511	SLN	chr11:107578100-107582787	0.0847334	0.0474555	-0.836354	1
XLOC_021032	RASA4CP	chr7:44068485-44083895	0.189393	0.106093	-0.836052	1
XLOC_013289	HECW2	chr2:197063976-197457335	0.00286841	0.00160717	-0.835729	1
XLOC_023177	LCN15	chr9:139654085-139658965	0.599298	0.335848	-0.835466	0.663419
XLOC_002517	GLUD1P3	chr10:75491298-75495367	0.37759	0.211831	-0.833911	0.40199
XLOC_004782	C12orf70	chr12:27619742-27655118	0.12953	0.0726764	-0.833724	1
XLOC_010650	CYP4F3	chr19:15751706-15771570	0.00763305	0.00428449	-0.833137	1
XLOC_008033	QPRT	chr16:29690440-29709314	0.126731	0.0711393	-0.83305	1
XLOC_015169	C3orf49	chr3:63805040-63849597	0.0153792	0.00863406	-0.832872	1
XLOC_002534	LINC00595	chr10:80027084-80039970	0.0696481	0.0391064	-0.832679	1
XLOC_016369	ALB	chr4:74269971-74287129	0.00953128	0.00535172	-0.832667	1
XLOC_021061	DDC	chr7:50526133-50633154	0.0208644	0.0117243	-0.831543	1
XLOC_016796	CDKL2	chr4:76501703-76555721	0.158352	0.0889846	-0.831508	1
XLOC_021858	RP1L1	chr8:10463859-10512617	0.0185419	0.0104268	-0.830491	1
XLOC_023471	RPS26P11	chrX:71130937-71363424	1.73795	0.977525	-0.830178	0.488373
XLOC_016818	TMEM150C	chr4:83405603-83483126	0.0115688	0.00650781	-0.829999	1
XLOC_004060	ASCL3	chr11:8959118-8964580	0.0570982	0.0321238	-0.8298	1
XLOC_010140	GREB1L	chr18:18822202-19102791	0.00341053	0.00191932	-0.829402	1
XLOC_019193	MLLT4-AS1	chr6:168224569-168227476	0.1378	0.0775742	-0.828931	1
XLOC_018159	HLA-G	chr6:29794755-29798899	0.0644519	0.0363019	-0.828177	1
XLOC_011005	DHDH	chr19:49436938-49448226	7.3859	4.1617	-0.827603	0.112314
XLOC_012759	NEU4	chr2:242750159-242758739	0.0470659	0.0265306	-0.827027	1
XLOC_004337	GAL3ST3	chr11:65808235-65816651	0.00978151	0.00551474	-0.826764	1
XLOC_004009	HBBP1	chr11:5263184-5264822	0.113579	0.0640469	-0.82649	1
XLOC_010527	EMR1	chr19:6887559-6940464	0.00863152	0.00486943	-0.825861	1
XLOC_000620	FAM46C	chr1:118148603-118171011	0.314686	0.177562	-0.825595	1
XLOC_012156	LOC100129726	chr2:43454349-43455994	0.0252716	0.0142622	-0.82532	1
XLOC_021919	GNRH1	chr8:25276773-25282556	0.755328	0.426577	-0.824297	0.295146

XLOC_001998	CD247	chr1:167399876-167487847	0.0382348	0.0216014	-0.823761	1
XLOC_012314	FER1L5	chr2:97308573-97370624	0.0325367	0.0184009	-0.822291	1
XLOC_007674	HIGD2B	chr15:72968122-72978490	0.0549001	0.0310538	-0.822038	1
XLOC_014764	SEC14L3	chr22:30855215-30868034	0.0106054	0.00600012	-0.82173	1
XLOC_016498	INTU	chr4:128554086-128637934	0.968215	0.548076	-0.820953	0.150849
XLOC_009738	DHX58	chr17:40253421-40264751	0.045672	0.0258614	-0.82051	1
XLOC_023937	NAP1L6	chrX:72345875-72347919	0.01110141	0.00623701	-0.820431	1
XLOC_011529	RAB3A	chr19:18307610-18314874	1.85758	1.05195	-0.820355	0.291005
XLOC_012822	DNAJC27	chr2:25166504-25194963	0.875294	0.495688	-0.820335	0.101019
XLOC_009288	SMIM6	chr17:73584138-73663269	0.0363201	0.0205898	-0.818837	1
XLOC_004292	HRASLS2	chr11:63014620-63330855	0.0399584	0.0226601	-0.818341	1
XLOC_018456	TPI1P3	chr6:116262692-116381921	0.0289692	0.0164286	-0.818314	1
XLOC_016731	CORIN	chr4:47596017-47840059	0.148034	0.0840114	-0.817273	1
XLOC_021510	TNFRSF10C	chr8:22941867-22974950	1.66828	0.946828	-0.817185	0.342031
XLOC_001437	LOC653160	chr1:35441299-35444307	0.980698	0.55694	-0.816287	0.401008
XLOC_007960	NOMO3	chr16:16326388-16388668	0.0265872	0.0151008	-0.816109	1
XLOC_012858	XDH	chr2:31557187-31637611	0.00359467	0.00204238	-0.815606	1
XLOC_014564	APOBEC3D	chr22:39417117-39429256	0.161632	0.0918348	-0.815603	1
XLOC_014496	NEFH	chr22:29876180-29887277	0.0135463	0.0076993	-0.815103	1
XLOC_017195	ANKDD1B	chr5:74916139-74966865	0.0154676	0.00879397	-0.814665	1
XLOC_000683	ANXA9	chr1:150954498-150968114	0.380329	0.21633	-0.814015	0.514757
XLOC_014036	BCAS1	chr20:52560078-52687304	0.00593153	0.00337404	-0.813927	1
XLOC_002907	BMS1P5	chr10:46737612-46762892	0.197611	0.112417	-0.813799	1
XLOC_002334	LOC399715	chr10:6319649-6377937	0.276684	0.157404	-0.813764	1
XLOC_009436	AIPL1	chr17:6327058-6338519	0.013679	0.00778248	-0.81366	1
XLOC_002026	LOC100506023	chr1:173204198-173446294	0.0327536	0.0186417	-0.813122	1
XLOC_010947	GIPR	chr19:46171501-46185717	0.579448	0.329874	-0.812761	0.455871
XLOC_014395	CECR5-AS1	chr22:17618409-17646335	0.511358	0.291168	-0.812483	0.93174
XLOC_014473	SGSM1	chr22:25202135-25322813	1.03245	0.588192	-0.811716	0.0847952
XLOC_012319	LOC100506123	chr2:97948228-97957632	1.16219	0.662477	-0.810906	0.141482
XLOC_009024	LINC00672	chr17:37081420-37085637	0.105599	0.0602035	-0.810679	1
XLOC_017248	LOC100289230	chr5:98264837-98266713	0.509147	0.29042	-0.809943	0.458976
XLOC_013663	SGK2	chr20:42187634-42214273	0.197518	0.112677	-0.809789	1
XLOC_007528	PLA2G4E	chr15:42273779-42342901	0.00502654	0.00286876	-0.809139	1
XLOC_017015	WWC2-AS2	chr4:184018173-184020352	0.985508	0.562475	-0.809077	0.389795
XLOC_011563	ZNF737	chr19:20720797-20748626	0.776472	0.443354	-0.808476	0.0525851
XLOC_008962	SH3GL1P2	chr17:28903482-28964484	0.0500575	0.0285882	-0.808169	1
XLOC_004039	DCHS1	chr11:6642557-6677074	0.0511475	0.0292219	-0.807613	1
XLOC_023992	TCEAL5	chrX:102528617-102531797	0.0180411	0.0103156	-0.80645	1
XLOC_000189	RHD	chr1:25598980-25656936	0.0905731	0.0517941	-0.806297	1
XLOC_011645	RASGRP4	chr19:38893774-38916945	0.0115336	0.00660313	-0.804615	1
XLOC_003126	COL17A1	chr10:105791045-105845638	0.0151917	0.00870891	-0.802721	1
XLOC_009084	AOC4	chr17:41019161-41021234	0.0137276	0.00787522	-0.801691	1
XLOC_010738	ZNF254	chr19:24269975-24312654	0.926184	0.531893	-0.800163	0.11953
XLOC_004151	ALX4	chr11:44282277-44331716	0.00533394	0.00306369	-0.799934	1
XLOC_008593	CNGB1	chr16:57916243-58005020	0.00445933	0.00256193	-0.799597	1
XLOC_021901	HR	chr8:21971931-21988565	1.31909	0.757837	-0.79958	0.123296
XLOC_003536	CD5	chr11:60869929-60895323	0.012965	0.00744941	-0.79942	1
XLOC_021156	LRRD1	chr7:91774197-91794590	0.0404342	0.0232365	-0.799184	1

XLOC_004945	KIF5A	chr12:57943846-57978554	0.00590385	0.00339282	-0.799171	1
XLOC_011219	ZNF543	chr19:57831864-57842144	0.688412	0.395736	-0.798733	0.202575
XLOC_018100	HIST1H2BE	chr6:26184023-26184458	0.120024	0.0690518	-0.797578	1
XLOC_003696	FOLR3	chr11:71846770-71850934	0.054405	0.031306	-0.7973	1
XLOC_005881	TPT1-AS1	chr13:45915479-45965618	6.07353	3.49497	-0.797256	0.0940497
XLOC_010113	ANKRD12	chr18:9136750-9285983	0.640386	0.368729	-0.796381	0.0584523
XLOC_002081	PDC	chr1:185703682-186446655	0.0149833	0.00862771	-0.796303	1
XLOC_003919	LINC00167	chr11:129769600-129875381	0.0914764	0.0526812	-0.796112	1
XLOC_011954	GP6	chr19:55525074-55549632	0.151524	0.0873321	-0.794961	1
XLOC_011450	ZNF709	chr19:12571997-12595632	0.972703	0.560788	-0.794544	0.101539
XLOC_012277	VAMP5	chr2:85811530-85820511	0.0517071	0.0298121	-0.794464	1
XLOC_000510	SNORD21	chr1:93297593-93427079	52.0223	30.0037	-0.793991	0.913875
XLOC_010469	TMPRSS9	chr19:2389783-2427875	0.0248814	0.0143622	-0.792789	1
XLOC_005201	LOC100130238	chr12:132680916-132905905	0.0190835	0.0110208	-0.792101	1
XLOC_000157	LOC100506801	chr1:21543739-21672034	0.0930491	0.053758	-0.791512	1
XLOC_010796	ZBTB32	chr19:36203829-36207940	0.0970166	0.0560948	-0.790364	1
XLOC_023961	BRWD3	chrX:79924986-80065233	0.579981	0.335501	-0.78969	0.0508243
XLOC_020576	CCDC146	chr7:76751933-76924521	0.495601	0.286719	-0.789542	0.262263
XLOC_013086	RGPD3	chr2:107021135-107084801	0.0462322	0.026748	-0.789464	1
XLOC_001214	KIAA1751	chr1:1884751-1935276	0.0085467	0.00494693	-0.788835	1
XLOC_022862	PGM5P2	chr9:69080243-69147854	0.114854	0.0664884	-0.78863	1
XLOC_007871	RAB26	chr16:2198650-2204141	10.7573	6.22803	-0.788472	0.0650492
XLOC_009458	YBX2	chr17:7191570-7197876	0.0217341	0.0125859	-0.788156	1
XLOC_014625	MIR4763,MIRLET	chr22:46481876-46509808	0.701662	0.406334	-0.788109	0.754905
XLOC_016209	SORCS2	chr4:7194373-7744564	0.0050662	0.00293416	-0.787959	1
XLOC_014439	CCDC116	chr22:21987085-21991616	0.127589	0.0739043	-0.787776	1
XLOC_023326	CYBB	chrX:37639269-37672714	0.0419619	0.0243137	-0.787312	1
XLOC_023517	DRP2	chrX:100474932-100519485	0.0276474	0.0160257	-0.786759	1
XLOC_011398	ZNF699	chr19:9405985-9415795	0.0856466	0.0496454	-0.786735	1
XLOC_003248	TNNI2	chr11:1860232-1862910	0.0440122	0.0255148	-0.786568	1
XLOC_023183	FUT7	chr9:139901685-139931234	0.0150939	0.00875677	-0.785494	1
XLOC_002557	OPN4	chr10:88414313-88426216	0.0142916	0.00829343	-0.785122	1
XLOC_002499	COL13A1	chr10:71561643-71718904	3.16446	1.83664	-0.784892	0.0884345
XLOC_002137	LRRN2	chr1:204586302-204654597	0.00981681	0.00570108	-0.784018	1
XLOC_013469	PDCD1	chr2:242792032-242801058	0.143377	0.0832782	-0.7838	1
XLOC_008342	IGFALS	chr16:1840413-1844909	0.163933	0.0954704	-0.779977	1
XLOC_008278	JPH3	chr16:87635440-87731761	0.0198775	0.0115835	-0.779071	1
XLOC_017685	GUSBP3	chr5:68935289-69006272	0.0789483	0.0460576	-0.77747	1
XLOC_004316	NAALADL1	chr11:64808375-64826009	0.0158107	0.00922939	-0.776591	1
XLOC_022215	RHPN1-AS1	chr8:144448792-144450805	2.63387	1.5396	-0.774629	0.176195
XLOC_015846	ABI3BP	chr3:100468178-100712334	0.0177418	0.010378	-0.773622	1
XLOC_005409	COL2A1	chr12:48366747-48398285	0.0158107	0.00925039	-0.773319	1
XLOC_018188	HCG27	chr6:31165536-31171745	0.411584	0.240884	-0.772845	0.521457
XLOC_006304	NFATC4	chr14:24836144-24848810	0.346818	0.203023	-0.77254	1
XLOC_006760	ARHGAP5-AS1	chr14:32544624-32545905	2.81183	1.64637	-0.772222	0.221487
XLOC_010058	CD7	chr17:80272745-80275480	0.0757584	0.0443767	-0.771603	1
XLOC_001904	PAQR6	chr1:156182778-156217908	3.54714	2.07782	-0.771588	0.705198
XLOC_000159	ALPL	chr1:21835857-21904905	0.0183981	0.0107938	-0.769358	1
XLOC_011295	C19orf35	chr19:2274630-2282181	0.0262552	0.0154042	-0.769281	1

XLOC_000487	CLCA2	chr1:86889768-86922240	0.0145236	0.00852277	-0.769001	1
XLOC_016875	CENPE	chr4:104026962-104119566	0.470073	0.276115	-0.767612	0.128687
XLOC_017474	LOC257358	chr5:169758434-169762104	0.0403545	0.0237491	-0.764857	1
XLOC_007514	LOC100505648	chr15:40985952-40987303	0.341617	0.201111	-0.764388	1
XLOC_017215	FAM151B	chr5:79783799-79838382	0.292231	0.172073	-0.764088	1
XLOC_017482	NEURL1B	chr5:172068275-172118533	0.351735	0.207172	-0.76366	1
XLOC_005203	P2RX2	chr12:133195402-133198972	0.0203316	0.0119779	-0.763351	1
XLOC_012276	VAMP8	chr2:85804613-85809156	1.328	0.78274	-0.762651	0.489185
XLOC_010476	TLE6	chr19:2977535-2995182	7.61706	4.49205	-0.761861	0.0603207
XLOC_022690	SLC34A3	chr9:140125208-140131006	0.0207323	0.0122267	-0.761844	1
XLOC_001092	OBSCN	chr1:228391206-228566575	0.741108	0.437079	-0.76179	0.0603207
XLOC_002857	ANKRD26	chr10:27293044-27389427	0.28525	0.16826	-0.761536	1
XLOC_008484	GSG1L	chr16:27798849-28074830	0.0140459	0.00828645	-0.761326	1
XLOC_011914	ZNF841	chr19:52567718-52599018	1.68276	0.99277	-0.761299	0.0854415
XLOC_018710	ZKSCAN4	chr6:28212489-28220002	1.40009	0.82637	-0.760658	0.201515
XLOC_000594	LOC643355	chr1:112533189-112541463	0.0227577	0.0134384	-0.759992	1
XLOC_008799	XAF1	chr17:6659155-6678964	0.0143541	0.0084847	-0.758526	1
XLOC_023977	TAF7L	chrX:100523240-100548059	0.0627988	0.0371276	-0.758244	1
XLOC_018410	ANKRD6	chr6:90142896-90348474	0.0542784	0.0321295	-0.756479	1
XLOC_005613	CEP290	chr12:88429267-88535993	0.619514	0.366761	-0.756296	0.703707
XLOC_018373	C6orf57	chr6:71276624-71298606	16.5916	9.82547	-0.755856	0.112063
XLOC_015784	ASB14	chr3:57261764-57326710	0.270984	0.160478	-0.755832	1
XLOC_012733	ESPNL	chr2:239008950-239041928	0.0694925	0.0411622	-0.755537	1
XLOC_008540	ZNF843	chr16:31446884-31454348	0.0308916	0.0183066	-0.75485	1
XLOC_010826	ZNF540	chr19:38039850-38105079	0.232377	0.137744	-0.754477	1
XLOC_021725	COLEC10	chr8:120079423-120119202	0.0436851	0.0259	-0.754189	1
XLOC_014355	HSF2BP	chr21:44949071-45079374	1.45465	0.862876	-0.753442	0.252932
XLOC_020522	KCTD7	chr7:66093867-66108216	1.32625	0.787078	-0.75278	0.129711
XLOC_013196	CD302,LY75,LY7E	chr2:160625138-160761267	0.382774	0.227208	-0.752477	0.289507
XLOC_003229	EPS8L2	chr11:706119-727727	1.33487	0.792814	-0.751644	0.275381
XLOC_009925	AXIN2	chr17:63524682-63557740	0.746116	0.443204	-0.751428	0.262704
XLOC_007705	NRG4	chr15:76234327-76304785	0.502301	0.298437	-0.751127	0.431214
XLOC_010720	ZNF93	chr19:20011721-20046382	0.0741857	0.0441293	-0.749405	1
XLOC_012653	WNT10A	chr2:219745254-219758651	1.29034	0.767625	-0.749274	0.353347
XLOC_021113	GTF2IRD2	chr7:74210483-74267841	0.19743	0.117468	-0.749071	1
XLOC_007431	HSP90B2P	chr15:99791651-99926498	0.0204629	0.0121755	-0.749025	1
XLOC_014235	C21orf15	chr21:15215453-15220685	0.410043	0.243994	-0.748929	0.608336
XLOC_013019	ST3GAL5	chr2:86066270-86116157	1.97847	1.17791	-0.748157	0.141952
XLOC_005816	TPTE2P6	chr13:25154345-25171812	0.0208503	0.0124231	-0.747039	1
XLOC_018186	PSORS1C1	chr6:31082607-31107869	0.822608	0.490302	-0.746534	0.687824
XLOC_005635	USP44	chr12:95910887-95945263	0.0127845	0.00763043	-0.744558	1
XLOC_006811	TXNDC16	chr14:52897307-53019301	0.519456	0.310162	-0.743979	0.234263
XLOC_021138	SEMA3C	chr7:80371853-80548667	0.305702	0.182574	-0.743644	1
XLOC_008506	TBX6	chr16:30097114-30103205	1.14932	0.687207	-0.74196	0.444145
XLOC_010192	KATNAL2	chr18:44526786-44628614	0.130586	0.0780826	-0.741928	1
XLOC_011802	PLA2G4C	chr19:48551099-48614109	0.160208	0.0957969	-0.7419	1
XLOC_007553	FRMD5	chr15:44165729-44487429	2.02181	1.20962	-0.741087	0.20598
XLOC_014404	DGCR5	chr22:18958010-18982142	0.113752	0.068108	-0.74	1
XLOC_006348	ABHD12B	chr14:51338877-51371688	0.0473318	0.0283585	-0.739028	1

XLOC_017314	IL13	chr5:131993864-131996801	0.11694	0.0701352	-0.737554	1
XLOC_011552	PBX4	chr19:19672515-19729725	1.56647	0.939518	-0.737526	0.357833
XLOC_023303	PDK3	chrX:24483343-24568583	6.79285	4.07442	-0.737422	0.236532
XLOC_011943	LILRA6	chr19:54740468-54746724	0.0564833	0.0338842	-0.737212	1
XLOC_018803	HLA-DMB	chr6:32902405-32908847	0.0458394	0.0275057	-0.736858	1
XLOC_003897	CCDC15	chr11:124824016-124911385	0.075197	0.0451241	-0.736776	1
XLOC_002507	CDH23	chr10:73156690-73575704	0.0336817	0.0202317	-0.73535	1
XLOC_014461	GSTT2	chr22:24322313-24326106	1.16834	0.702315	-0.734271	0.489743
XLOC_013049	NEURL3	chr2:97163382-97173846	0.0587691	0.0353345	-0.733982	1
XLOC_001272	DHRS3	chr1:12627938-12677820	0.321708	0.193431	-0.733933	1
XLOC_011235	ZNF586	chr19:58281019-58291984	0.467269	0.28115	-0.732912	0.400815
XLOC_007481	WHAMMP1	chr15:32812048-32825942	0.916844	0.551827	-0.73246	0.359287
XLOC_011525	UNC13A	chr19:17712136-17799008	0.0134151	0.00807469	-0.732384	1
XLOC_014291	TIAM1	chr21:32490735-32931290	0.00921907	0.00554993	-0.732152	1
XLOC_023829	CXorf31	chrX:46746853-46759139	0.255287	0.15373	-0.731715	1
XLOC_006506	IFI27	chr14:94577078-94583033	26.3474	15.8699	-0.731362	0.0705331
XLOC_005307	TAS2R19	chr12:10998447-11328619	0.0757879	0.0457047	-0.729627	1
XLOC_013769	DPHP3P1	chr20:61448413-61493115	1.19325	0.719618	-0.729587	0.902199
XLOC_013425	KCNJ13	chr2:233562014-233725289	0.0191712	0.0115657	-0.729083	1
XLOC_005511	ITGA7	chr12:56075329-56106089	3.85765	2.32754	-0.728919	0.173695
XLOC_023767	FIGF,PIR	chrX:15363712-15511711	0.609177	0.367878	-0.727635	0.462426
XLOC_010387	LMAN1	chr18:56995055-57026508	2.25889	1.36447	-0.727275	0.0550104
XLOC_022624	NTNG2	chr9:135037333-135118220	1.90237	1.14913	-0.727258	0.258195
XLOC_008866	MGC12916	chr17:14204505-14249492	2.98088	1.80213	-0.726041	0.176195
XLOC_013496	EBF4	chr20:2673523-2740754	1.07363	0.649084	-0.726015	0.379552
XLOC_013193	CCDC148	chr2:159023161-159313265	0.101072	0.0611488	-0.724988	1
XLOC_015109	FAM212A	chr3:49840686-49842463	8.73599	5.2892	-0.723924	0.133324
XLOC_012604	PARD3B	chr2:205410515-206484886	0.369161	0.223577	-0.723476	1
XLOC_022328	DNAJB5	chr9:34989637-34998430	4.10193	2.48519	-0.722949	0.0792007
XLOC_018203	LY6G5B	chr6:31638727-31640227	4.38979	2.66015	-0.722647	0.315938
XLOC_000404	DIO1	chr1:54359860-54376759	0.0397179	0.0240704	-0.722528	1
XLOC_016600	C4orf47	chr4:186350544-186392913	1.42727	0.865037	-0.722421	0.518305
XLOC_018734	TRIM31	chr6:30070673-30080867	0.0481341	0.029197	-0.721239	1
XLOC_008037	PRRT2	chr16:29823408-29827202	0.159112	0.0965428	-0.7208	1
XLOC_017531	LTC4S	chr5:179220985-179223513	1.60293	0.972688	-0.720661	0.732443
XLOC_008017	APOBR	chr16:28505969-28510291	0.0521685	0.0316928	-0.719025	1
XLOC_010310	OSBPL1A	chr18:21742010-21977833	2.8103	1.70806	-0.718365	0.0827369
XLOC_009960	USH1G	chr17:72912175-72919351	0.688712	0.418699	-0.717987	0.369131
XLOC_004681	GPR162	chr12:6930962-6936583	3.93183	2.39163	-0.717204	0.210123
XLOC_010607	ZNF844	chr19:12175545-12188626	1.11305	0.678605	-0.713878	0.204123
XLOC_014830	NPTXR	chr22:39214455-39240017	0.478559	0.291844	-0.713502	0.303067
XLOC_007753	GOLGA6L5	chr15:85045805-85060078	0.263859	0.160991	-0.712787	1
XLOC_022582	DNM1	chr9:130928343-131017527	10.084	6.1609	-0.710857	0.79984
XLOC_016536	FAM160A1	chr4:152330397-152584784	1.4989	0.916905	-0.709059	0.136379
XLOC_012006	A1BG	chr19:58858171-58874214	0.419155	0.256551	-0.708236	0.871053
XLOC_018238	HCG25	chr6:33217312-33239662	0.270744	0.165811	-0.707394	1
XLOC_018332	SLC25A27	chr6:46620651-46645927	1.34211	0.822081	-0.707146	0.213825
XLOC_002226	C1orf145	chr1:228391206-228566575	0.633043	0.387822	-0.706907	0.911712
XLOC_005657	IGF1	chr12:102789644-102874378	0.00472064	0.00289225	-0.70679	1

XLOC_021322	FLJ43663	chr7:130628918-130793562	5.5577	3.40612	-0.706357	0.0748376
XLOC_012304	PROM2	chr2:95940200-95957055	0.253691	0.155625	-0.705004	1
XLOC_012559	ANKAR	chr2:190540710-190611376	0.187805	0.1153	-0.703839	1
XLOC_000838	NOS1AP	chr1:162039580-162339813	0.185923	0.114222	-0.702864	1
XLOC_003640	CNIH2	chr11:66045671-66051685	0.568357	0.349274	-0.702441	0.646113
XLOC_014775	PIK3IP1	chr22:31677578-31688520	3.20019	1.96706	-0.702117	0.153369
XLOC_023953	ATRX	chrX:76760355-77041719	1.46002	0.898378	-0.700598	0.0580068
XLOC_001001	MFSD4	chr1:205538111-205572046	0.0788425	0.0485333	-0.699998	1
XLOC_005723	HRK	chr12:117298224-117319232	2.29504	1.41321	-0.699548	0.322956
XLOC_015970	NME9	chr3:137906114-138048728	0.172307	0.106118	-0.699318	1
XLOC_001710	OVGP1	chr1:111956936-111970399	1.10871	0.683379	-0.698117	0.307694
XLOC_003028	MMRN2	chr10:88695297-88717425	0.317251	0.19557	-0.69794	1
XLOC_023625	ZNF449	chrX:134478695-134497338	0.51848	0.319934	-0.696515	0.319187
XLOC_011030	RCN3	chr19:50030874-50046890	4.36932	2.6972	-0.695947	0.200395
XLOC_005795	CHFR	chr12:133416937-133464204	0.331509	0.204675	-0.695712	1
XLOC_017381	PCDHB12	chr5:140588290-140591698	0.143033	0.0884567	-0.693302	1
XLOC_002382	OTUD1	chr10:23728197-23731310	3.81851	2.3618	-0.693124	0.101019
XLOC_011596	ZNF792	chr19:35447257-35454953	1.18224	0.731283	-0.693023	0.191481
XLOC_011734	LYPD5	chr19:44300078-44324808	0.40263	0.249158	-0.692394	0.503669
XLOC_006719	PPP1R3E	chr14:23765111-23772057	1.4852	0.919505	-0.691733	0.177708
XLOC_018901	ENPP5	chr6:46127761-46138717	0.372257	0.230486	-0.691616	1
XLOC_002444	AGAP9	chr10:48215723-48237508	0.109286	0.0676717	-0.691484	1
XLOC_006889	ALDH6A1	chr14:74486058-74551196	2.64431	1.63867	-0.69037	0.232203
XLOC_004010	HBG1	chr11:5269501-5271087	0.26082	0.161716	-0.689593	1
XLOC_004715	A2M-AS1	chr12:9217772-9268558	0.074403	0.0461482	-0.689085	1
XLOC_011903	FLJ30403	chr19:52095035-52097633	0.870463	0.540152	-0.688416	0.455427
XLOC_009437	PITPNM3	chr17:6354582-6459877	0.212461	0.131844	-0.688371	1
XLOC_007708	SCAPER	chr15:76640526-77176217	2.26276	1.40559	-0.686907	0.0788604
XLOC_020648	PILRA	chr7:99971067-99997722	0.589732	0.366428	-0.686532	0.599713
XLOC_012149	LOC728730	chr2:39664556-39828484	0.540243	0.335758	-0.686189	0.400165
XLOC_006300	TSSK4	chr14:24674925-24677454	0.0894387	0.0556103	-0.685546	1
XLOC_019016	BVES	chr6:105544698-105585049	0.00616765	0.00383583	-0.685184	1
XLOC_005933	KLF5	chr13:73633141-73651676	1.65581	1.03046	-0.684253	0.187143
XLOC_023814	BCOR	chrX:39910498-40036582	1.5763	0.981039	-0.684155	0.111557
XLOC_016592	ING2	chr4:184426219-184432249	8.59325	5.34861	-0.684039	0.112565
XLOC_009125	LRRC37A	chr17:44372496-44439163	0.0677355	0.0421789	-0.683389	1
XLOC_021770	LY6K	chr8:143781528-143808391	0.238639	0.148659	-0.682826	1
XLOC_010172	ZNF397	chr18:32820993-32870196	2.77085	1.72624	-0.682691	0.431436
XLOC_017523	ZNF354B	chr5:178286953-178311424	1.52685	0.951748	-0.681905	0.242582
XLOC_004244	SLC15A3	chr11:60691912-60719257	2.66413	1.66071	-0.681863	0.887978
XLOC_005693	C12orf76	chr12:110478982-110505500	1.87332	1.16826	-0.681241	0.227806
XLOC_020456	C7orf10	chr7:40174574-40900366	0.359939	0.224755	-0.6794	1
XLOC_021953	RNF122	chr8:33405272-33424643	3.28445	2.05128	-0.679124	0.220205
XLOC_006785	KLHL28	chr14:45393526-45431179	0.777098	0.485443	-0.678796	0.174212
XLOC_009803	OSBPL7	chr17:45884732-45899147	3.54344	2.21499	-0.677853	0.117359
XLOC_023770	INE2	chrX:15756411-15805748	2.00804	1.2555	-0.677526	0.436714
XLOC_009503	TMEM220	chr17:10616638-10718481	0.0896899	0.0560882	-0.677247	1
XLOC_024110	ARHGEF6	chrX:135747711-135863503	0.369299	0.230964	-0.677123	1
XLOC_008964	ATAD5	chr17:29159022-29222295	0.640081	0.400357	-0.676965	0.208603

XLOC_010600	ZNF441	chr19:11877814-11894893	0.630405	0.394385	-0.676674	0.245231
XLOC_021859	SOX7	chr8:10581277-10588022	0.144304	0.0902968	-0.676368	1
XLOC_008006	LOC554206	chr16:25043061-25044098	0.940717	0.588757	-0.676089	0.567668
XLOC_012104	KRTCAP3	chr2:27665232-27712571	1.18256	0.740357	-0.675623	0.879418
XLOC_000848	PBX1	chr1:164528596-164821060	0.173458	0.108671	-0.674614	1
XLOC_023979	BTK	chrX:100604434-100641212	0.0171883	0.0107685	-0.674611	1
XLOC_002845	SKIDA1	chr10:21802408-21814611	0.231624	0.145178	-0.673959	1
XLOC_015425	IL12A	chr3:159706622-159713806	1.5739	0.987062	-0.673128	0.353435
XLOC_001751	NBPF7	chr1:120377387-120387779	0.130308	0.0818333	-0.671166	1
XLOC_017636	ANXA2R	chr5:43039181-43040447	3.1323	1.96708	-0.671165	0.332823
XLOC_020694	SLC26A4	chr7:107296960-107358252	0.0604092	0.0379793	-0.669557	1
XLOC_005643	LOC643770	chr12:98879321-98897633	0.295037	0.185521	-0.669315	1
XLOC_011165	LAIR2	chr19:55014012-55021900	2.4029	1.51116	-0.669114	0.501582
XLOC_005680	SELPLG	chr12:109015679-109027670	0.235523	0.148159	-0.66872	1
XLOC_012179	GTF2A1L,STON1	chr2:48757063-49003656	0.0117637	0.00740115	-0.668515	1
XLOC_010497	SHD	chr19:4278597-4290720	0.472034	0.297052	-0.668172	0.633194
XLOC_013534	MACROD2	chr20:13976145-16033841	0.0209329	0.0131873	-0.666615	1
XLOC_008096	HEATR3	chr16:50099880-50139375	2.33048	1.46821	-0.666565	0.195931
XLOC_015226	TMEM45A	chr3:100211462-100296285	15.3301	9.65862	-0.666478	0.0550104
XLOC_020876	LOC202781	chr7:154795142-154797413	8.75383	5.516	-0.666293	0.0705331
XLOC_004158	CHRM4	chr11:46406639-46408107	0.188157	0.118588	-0.665974	1
XLOC_009737	ZNF385C	chr17:40118758-40190044	0.0294999	0.018605	-0.665017	1
XLOC_020539	VPS37D	chr7:73082173-73086440	20.1076	12.6831	-0.664827	0.0699076
XLOC_022861	LOC642236	chr9:68427782-68454375	0.227784	0.143697	-0.664638	1
XLOC_000635	NBPF10	chr1:145293370-145368684	0.234049	0.147665	-0.664485	1
XLOC_012609	ZDBF2	chr2:207139522-207179148	0.576991	0.364078	-0.664302	0.14587
XLOC_009117	MAP3K14-AS1	chr17:43325302-43394414	1.05512	0.665795	-0.664261	0.876609
XLOC_016446	FLJ20021	chr4:102268933-102270040	2.89624	1.82832	-0.663664	0.494997
XLOC_007482	FMN1	chr15:33057746-33360085	0.122779	0.0775221	-0.663381	1
XLOC_017274	COMMD10	chr5:115420726-115628978	6.82769	4.31125	-0.663292	0.113276
XLOC_010880	TMEM91	chr19:41860321-41889987	5.9651	3.769	-0.662363	0.512429
XLOC_015709	LAMB2P1	chr3:49190291-49191834	0.728229	0.460144	-0.662308	0.548698
XLOC_006257	ANG,RNASE4	chr14:21152335-21168758	24.7781	15.6569	-0.662265	0.086788
XLOC_003351	KCNC1	chr11:17757494-17804602	0.0168676	0.0106635	-0.661581	1
XLOC_017916	C5orf4	chr5:154198051-154230213	0.0263605	0.0166676	-0.661333	1
XLOC_004708	FAM66C	chr12:8332804-8353596	0.0472646	0.0298943	-0.660889	1
XLOC_013214	LOC100506124	chr2:166713985-166728451	0.477984	0.30263	-0.659409	0.576342
XLOC_009926	CEP112	chr17:63631657-64188212	1.66556	1.05473	-0.65913	0.350325
XLOC_011440	ACP5	chr19:11685474-11689801	0.177937	0.112685	-0.659071	1
XLOC_004826	PRPH	chr12:49688908-49692481	0.119436	0.0756771	-0.658313	1
XLOC_002764	JAKMIP3	chr10:133918312-133998313	0.0754926	0.047875	-0.657065	1
XLOC_012936	LOC100132215	chr2:62900985-63275656	0.192645	0.122228	-0.656365	1
XLOC_003093	SNORA12	chr10:101992054-102027437	39.5902	25.1219	-0.656198	0.960032
XLOC_009888	LOC653653	chr17:58179120-58180280	0.0737596	0.0468202	-0.6557	1
XLOC_007633	UBAP1L	chr15:65385341-65398697	1.09053	0.692427	-0.655293	0.589805
XLOC_019140	RAET1G	chr6:150139893-150244214	0.536936	0.341497	-0.652876	0.950862
XLOC_000035	PLCH2	chr1:2407753-2436964	0.0857374	0.0545522	-0.652288	1
XLOC_013719	PARD6B	chr20:49348080-49370278	1.9654	1.25077	-0.652003	0.131526
XLOC_014262	GRIK1	chr21:30909253-31312282	0.0312535	0.0198903	-0.651953	1

XLOC_011632	LOC284412	chr19:37756840-37759912	0.427125	0.271981	-0.651155	0.566136
XLOC_002580	IFIT2	chr10:91061705-91069033	0.104822	0.0668136	-0.649722	1
XLOC_003330	AMPD3	chr11:10471867-10529126	4.00202	2.55151	-0.649376	0.0738934
XLOC_002848	LOC100499489	chr10:22724353-22726858	2.12014	1.35198	-0.649087	0.31192
XLOC_008910	RNF112	chr17:19314490-19320589	0.240425	0.153363	-0.648634	1
XLOC_012651	CYP27A1	chr2:219646471-219680016	0.0462534	0.029516	-0.64806	1
XLOC_015794	FHIT	chr3:59735035-61237133	15.8535	10.1182	-0.64785	0.0894386
XLOC_021306	OPN1SW	chr7:128379345-128415844	0.124259	0.0793969	-0.646195	1
XLOC_018110	BTN3A1	chr6:26402464-26415444	1.33969	0.85615	-0.645966	0.219838
XLOC_019028	SESN1	chr6:109307639-109415708	3.82339	2.44342	-0.645948	0.11953
XLOC_021142	SEMA3E	chr7:82993221-83278479	0.0206335	0.0131933	-0.645184	1
XLOC_006279	REM2	chr14:23352431-23356889	0.42456	0.271482	-0.645114	0.692701
XLOC_017774	FEM1C	chr5:114856607-114880591	3.23319	2.06762	-0.644992	0.0603207
XLOC_013183	CACNB4	chr2:152689285-152955593	0.598998	0.383118	-0.644765	0.19932
XLOC_001083	LOC100130093	chr1:227916239-227968932	0.711547	0.455252	-0.644292	0.958439
XLOC_022043	LOC100130301	chr8:74153658-74171737	0.0813419	0.0520433	-0.644287	1
XLOC_013582	ID1	chr20:30193085-30194317	55.9281	35.7846	-0.644234	0.057213
XLOC_010481	CELF5	chr19:3224700-3297073	0.463866	0.296931	-0.643579	0.575077
XLOC_020572	UPK3B	chr7:76139744-76157199	1.83775	1.1766	-0.643319	0.46688
XLOC_009443	LOC100506713	chr17:6888441-6915653	1.97513	1.2646	-0.64327	0.579352
XLOC_002166	C1orf74	chr1:209929393-209957890	1.89282	1.21224	-0.642854	0.342315
XLOC_009703	KRTAP4-6	chr17:39295684-39296739	0.182204	0.116738	-0.642278	1
XLOC_022941	ZNF484	chr9:95607312-95640320	0.992651	0.636065	-0.642113	0.232203
XLOC_017765	STARD4	chr5:110834021-111353003	1.33204	0.853748	-0.641755	0.307111
XLOC_012116	SPDYA	chr2:29033699-29093175	0.155448	0.0996413	-0.641612	1
XLOC_020508	LOC649395	chr7:63894070-63895895	0.0197077	0.0126373	-0.641073	1
XLOC_008462	LOC100190986	chr16:21443344-21445776	0.862424	0.553039	-0.641018	0.390477
XLOC_000672	C1orf54	chr1:150245182-150253335	0.469716	0.30131	-0.64054	0.799656
XLOC_014437	TMEM191C	chr22:21821458-21824224	0.40322	0.258795	-0.639756	0.813083
XLOC_003967	MRPL23-AS1	chr11:2004438-2011150	0.084393	0.054167	-0.639709	1
XLOC_017780	LOX	chr5:121398889-121414055	1.12029	0.719371	-0.639068	0.21812
XLOC_015695	CELSR3	chr3:48673895-48700348	0.955155	0.613571	-0.638504	0.614163
XLOC_016578	SAP30	chr4:174292092-174298683	41.0992	26.4035	-0.63838	0.0600393
XLOC_005802	ZMYM2	chr13:20532809-20665968	2.13322	1.371	-0.637805	0.0554201
XLOC_005306	TAS2R20	chr12:10998447-11328619	0.297807	0.19141	-0.637711	1
XLOC_012776	RNF144A-AS1	chr2:7052406-7184309	0.0158837	0.0102101	-0.637556	1
XLOC_010180	KIAA1328	chr18:33877701-34805288	0.355297	0.228501	-0.636823	1
XLOC_000368	LURAP1	chr1:46654352-46686928	0.0428463	0.0275615	-0.636515	1
XLOC_000933	SWT1	chr1:185087217-185260913	0.971825	0.625308	-0.63613	0.669767
XLOC_023282	NHS	chrX:17393542-17754113	0.0265001	0.0170519	-0.636068	1
XLOC_010903	ZNF575	chr19:44037339-44040284	0.975258	0.627853	-0.635356	0.626914
XLOC_011585	SLC7A9	chr19:33321418-33360683	0.21707	0.139748	-0.635336	1
XLOC_002168	SERTAD4-AS1	chr1:210404803-210416440	3.48486	2.24395	-0.63506	0.479755
XLOC_011621	ZFP14	chr19:36825354-36870105	0.239188	0.154059	-0.634664	1
XLOC_023286	PPEF1	chrX:18709044-18846034	0.172032	0.110813	-0.634554	1
XLOC_010444	HMHA1	chr19:1065921-1095391	24.6132	15.8838	-0.63188	0.629512
XLOC_004081	LOC100506305	chr11:13001080-13011095	0.0259281	0.0167434	-0.630921	1
XLOC_013529	SLX4IP	chr20:10415950-10604027	0.267571	0.17279	-0.6309	1
XLOC_022232	PARP10	chr8:145051319-145060635	4.38677	2.83298	-0.630837	0.147146

XLOC_022302	CDKN2B-AS1	chr9:21994789-22121093	0.186642	0.120576	-0.630329	1
XLOC_012048	C2orf48	chr2:10281980-10350942	1.79309	1.15839	-0.630325	0.578553
XLOC_011644	GGN	chr19:38874991-38878668	0.743233	0.480278	-0.629946	0.66669
XLOC_022254	ZNF250	chr8:146102335-146126846	1.43237	0.925955	-0.629386	0.140535
XLOC_004271	ZBTB3	chr11:62518434-62521656	1.36085	0.879923	-0.629061	0.33638
XLOC_024001	LOC286437	chrX:103139054-103401708	0.251225	0.162442	-0.629055	1
XLOC_008781	C17orf107	chr17:4736634-4806369	0.192869	0.124738	-0.628717	1
XLOC_007957	C16orf45	chr16:15528324-15682116	0.113507	0.0734326	-0.628283	1
XLOC_015199	ZNF654	chr3:88101099-88207115	1.65525	1.07108	-0.627989	0.649964
XLOC_004838	ASIC1	chr12:50451419-50477405	7.12159	4.60866	-0.627851	0.0805827
XLOC_022568	GARNL3	chr9:130026755-130155828	1.64641	1.06622	-0.626816	0.221358
XLOC_020465	FLJ35390	chr7:44068485-44083895	1.10952	0.71854	-0.626793	0.626866
XLOC_003944	LOC143666	chr11:573807-575885	1.04143	0.674619	-0.626414	0.500234
XLOC_023017	ZFP37	chr9:115804173-115818996	2.37233	1.53677	-0.626403	0.166833
XLOC_003420	CD82	chr11:44587140-44641315	2.20439	1.42884	-0.625531	0.393124
XLOC_017018	LOC389247	chr4:184415889-184425668	0.600535	0.389419	-0.624923	0.803166
XLOC_007981	CRYM-AS1	chr16:21269838-21329912	0.196241	0.127283	-0.62459	1
XLOC_000290	DNALI1	chr1:38022519-38061586	0.0141208	0.00916091	-0.624255	1
XLOC_015942	RPL32P3	chr3:129101676-129118282	2.14698	1.39301	-0.624104	0.289821
XLOC_008955	EFCAB5	chr17:27952964-28435470	0.0221377	0.014366	-0.623844	1
XLOC_000059	THAP3	chr1:6684924-6761966	25.3046	16.4288	-0.62317	0.472234
XLOC_021144	SEMA3D	chr7:84624871-84751247	3.56904	2.31768	-0.622851	0.0576107
XLOC_013437	RAB17	chr2:238482964-238499769	0.0554147	0.0359866	-0.622807	1
XLOC_002920	BMS1P1	chr10:48927373-48952629	0.0905132	0.0588083	-0.622109	1
XLOC_011757	GPR4	chr19:46093022-46105466	0.0388242	0.0252296	-0.621841	1
XLOC_015539	MFI2-AS1	chr3:196728611-196756687	2.96417	1.92667	-0.621518	0.884031
XLOC_009766	MPP2	chr17:41952726-41985113	5.1727	3.36264	-0.621322	0.103663
XLOC_007898	LINC00514	chr16:3039054-3044510	0.28955	0.188237	-0.62126	1
XLOC_022639	C9orf96	chr9:136243283-136324508	0.123906	0.0806236	-0.619969	1
XLOC_013998	WFDC3	chr20:44402846-44420547	0.152422	0.0992161	-0.619427	1
XLOC_002115	SYT2	chr1:202559724-202679551	0.0208689	0.0135919	-0.618606	1
XLOC_010475	ZNF57	chr19:2900895-2918474	3.37116	2.1958	-0.6185	0.179887
XLOC_019198	WDR27	chr6:169857302-170102159	1.5429	1.00559	-0.617596	0.299896
XLOC_018467	DCBLD1	chr6:117803819-117923705	0.638753	0.416435	-0.617166	0.902666
XLOC_001186	LOC100130417	chr1:852952-854817	0.27386	0.178561	-0.617019	1
XLOC_018095	HFE	chr6:26087508-26095469	1.94188	1.26645	-0.616661	0.346208
XLOC_007252	ANKDD1A	chr15:65204100-65251041	1.24168	0.809941	-0.616402	0.312665
XLOC_000601	LRIG2	chr1:113615830-113667342	1.83427	1.19692	-0.615883	0.189056
XLOC_017278	TNFAIP8	chr5:118604417-118730294	2.93511	1.9169	-0.614638	0.222215
XLOC_002516	DNAJC9-AS1	chr10:75007124-75118617	0.0558047	0.0364511	-0.614426	1
XLOC_009647	GPR179	chr17:36481492-36499693	0.00603129	0.00394023	-0.614187	1
XLOC_017647	LOC642366	chr5:50668570-50690563	0.0625372	0.0408588	-0.614066	1
XLOC_000577	UBL4B	chr1:110655061-110656569	0.160601	0.104931	-0.614034	1
XLOC_011048	FLJ26850	chr19:50553936-50570052	1.65777	1.08366	-0.613331	0.469274
XLOC_021199	AZGP1	chr7:99564349-99573735	0.14409	0.0942199	-0.612865	1
XLOC_015981	NMNAT3	chr3:139279022-139396885	2.6203	1.71348	-0.612803	0.272179
XLOC_018769	DDAH2	chr6:31694816-31698039	38.3999	25.1118	-0.612738	0.0600393
XLOC_002419	ZNF487P	chr10:43932573-43978007	0.348546	0.227968	-0.612522	1
XLOC_000241	MATN1-AS1	chr1:31184123-31199593	1.08651	0.710695	-0.612402	0.523804

XLOC_006311	G2E3	chr14:31028328-31089046	1.05357	0.689197	-0.612298	0.206324
XLOC_007507	BMF	chr15:40380090-40401085	0.366658	0.239922	-0.611868	1
XLOC_003839	BACE1-AS	chr11:117103403-117186972	0.806701	0.527905	-0.611755	0.946021
XLOC_014034	ZNF217	chr20:52183609-52199636	1.9643	1.28554	-0.611646	0.138886
XLOC_012303	ZNF2	chr2:95831182-95850064	1.26475	0.828199	-0.610805	0.293852
XLOC_011441	ZNF823	chr19:11832079-11849760	1.88048	1.23151	-0.61068	0.255234
XLOC_016734	TXK	chr4:48068409-48136273	0.100018	0.0655035	-0.610617	1
XLOC_007308	MPI	chr15:75182409-75190565	51.6988	33.8672	-0.610242	0.0554201
XLOC_003837	TAGLN	chr11:117049938-117075508	51.3847	33.6626	-0.610193	0.199218
XLOC_021557	PLEKHA2	chr8:38758752-38831430	10.8302	7.09721	-0.609734	0.0554201
XLOC_014532	RASD2	chr22:35937351-35950045	1.15506	0.757392	-0.608859	0.41867
XLOC_011556	ZNF14	chr19:19821280-19843921	2.26662	1.48653	-0.608598	0.19572
XLOC_014806	C1QTNF6	chr22:37576205-37584330	1.1718	0.768744	-0.608145	0.518305
XLOC_008169	FBXL8,HSF4	chr16:67193890-67203848	9.63176	6.31901	-0.6081	0.257743
XLOC_014157	LOC100506385	chr21:36118121-36157168	0.0308556	0.0202483	-0.607732	1
XLOC_023182	ABCA2	chr9:139901685-139931234	23.3096	15.2971	-0.607665	0.0525851
XLOC_013808	SLC52A3	chr20:740723-749228	0.024651	0.0161786	-0.607559	1
XLOC_000902	C1orf220	chr1:178511930-178518024	0.0987572	0.0648192	-0.607466	1
XLOC_012749	SNED1	chr2:241938254-242041747	0.469979	0.308491	-0.607367	0.810501
XLOC_011652	RINL	chr19:39358471-39368919	1.108	0.727492	-0.606957	0.387473
XLOC_009099	NAGS	chr17:42082031-42086436	6.82615	4.48462	-0.606088	0.209241
XLOC_012032	COLEC11	chr2:3642421-3692234	0.468838	0.308027	-0.606033	0.547882
XLOC_011911	ZNF615	chr19:52494586-52511483	0.761879	0.500576	-0.605973	0.306773
XLOC_012507	GAD1	chr2:171673199-171717659	9.40281	6.17928	-0.605654	0.291131
XLOC_006021	CRYL1	chr13:20977805-21100012	30.3383	19.941	-0.605402	0.0657182
XLOC_022741	MLLT3	chr9:20344967-20622514	3.55407	2.33677	-0.604957	0.142786
XLOC_016492	FGF2	chr4:123747862-123844159	0.00731875	0.00481314	-0.60462	1
XLOC_009483	KRBA2	chr17:8271972-8274858	0.0416842	0.0274155	-0.60451	1
XLOC_006749	STXBP6	chr14:25281305-25519095	1.00169	0.658878	-0.604345	0.493358
XLOC_011539	CRLF1	chr19:18704034-18717660	1.0498	0.69055	-0.604291	0.59512
XLOC_005597	CSRP2	chr12:77252495-77272799	30.5974	20.1423	-0.603181	0.0940496
XLOC_008337	PTX4	chr16:1535939-1538468	0.0802281	0.0528178	-0.603084	1
XLOC_006855	GPX2	chr14:65381078-65569413	0.0831084	0.0547241	-0.60282	1
XLOC_001315	IFFO2	chr1:19230773-19282826	6.87403	4.52667	-0.602707	0.0748376
XLOC_001126	CHRM3	chr1:239792372-240072717	0.133038	0.0876537	-0.601956	1
XLOC_021768	BAI1	chr8:143545376-143626368	0.588814	0.387984	-0.601815	0.499306
XLOC_006878	ADAM20	chr14:70989077-71001732	0.0157736	0.0103966	-0.601408	1
XLOC_017637	LOC100132356	chr5:43065288-43067073	0.215523	0.142093	-0.601006	1
XLOC_000931	C1orf21	chr1:184356149-184598155	2.69792	1.779	-0.600783	0.0745439
XLOC_011925	ZNF160	chr19:53569866-53606687	4.95178	3.26664	-0.600142	0.0860839
XLOC_015996	HLTF	chr3:148747903-148820610	0.0547437	0.0361209	-0.599859	1
XLOC_001620	TTL7	chr1:84259597-84464833	0.162498	0.107244	-0.599528	1
XLOC_012345	SLC9A4	chr2:103089761-103150431	0.080023	0.0528215	-0.59929	1
XLOC_007371	GOLGA6L4	chr15:84904524-84914120	0.180588	0.119218	-0.599106	1
XLOC_002282	SMYD3	chr1:245912641-246670644	22.8781	15.1127	-0.598204	0.076039
XLOC_013878	RALGAPA2	chr20:20370271-20693266	1.15237	0.761754	-0.597214	0.160098
XLOC_014331	LCA5L	chr21:40777769-40816128	0.23103	0.15273	-0.597097	1
XLOC_010765	GPI	chr19:34855644-34893318	312.004	206.293	-0.596871	0.0699076
XLOC_017159	MAST4	chr5:65892175-66465423	0.707765	0.468213	-0.596105	0.419248

XLOC_005304	TAS2R14	chr12:10998447-11328619	0.270341	0.178847	-0.596055	1
XLOC_018081	KAAG1	chr6:24171982-24383520	0.715595	0.473551	-0.595625	0.844608
XLOC_007013	HERC2P7	chr15:23390721-23393943	3.43011	2.27031	-0.595364	0.266518
XLOC_020650	NYAP1	chr7:100081549-100092424	2.36501	1.56547	-0.595249	0.289501
XLOC_022919	SHC3	chr9:91620685-91793682	0.0517724	0.0342704	-0.595222	1
XLOC_012463	MBD5	chr2:148602569-149271044	0.155212	0.10278	-0.59468	1
XLOC_023029	DFNB31	chr9:117164359-117267736	13.0129	8.62337	-0.593619	0.0857306
XLOC_018771	VWA7	chr6:31733370-31745108	0.0963439	0.0638464	-0.593589	1
XLOC_020366	PMS2CL	chr7:6774935-6791232	2.42673	1.60897	-0.592877	0.321184
XLOC_013390	AP1S3	chr2:224620046-224702319	0.0215784	0.0143072	-0.592845	1
XLOC_009298	AANAT	chr17:74449432-74466199	0.240359	0.159371	-0.592805	1
XLOC_021384	ZNF786	chr7:148766732-148787869	3.58575	2.3784	-0.592284	0.197192
XLOC_010540	C19orf59	chr19:7741942-7744719	0.0712987	0.047292	-0.59228	1
XLOC_002274	MAP1LC3C	chr1:242158791-242162385	0.690043	0.457709	-0.592255	0.678853
XLOC_007454	LOC283683	chr15:23094330-23115254	0.184705	0.122539	-0.591989	1
XLOC_013542	ZNF133	chr20:18269120-18297640	6.14344	4.07635	-0.591769	0.148406
XLOC_002423	ZNF32-AS2	chr10:44124264-44170147	0.652755	0.433432	-0.590736	0.923571
XLOC_015521	MGC2889	chr3:192958916-192988644	0.0343241	0.0227971	-0.59037	1
XLOC_005775	CCDC92	chr12:124420954-124457163	2.47513	1.64411	-0.590202	0.384101
XLOC_017779	DTWD2	chr5:118172568-118324240	0.61191	0.406464	-0.590192	0.362482
XLOC_011623	ZNF566	chr19:36936020-36980463	2.07382	1.37767	-0.590066	0.153369
XLOC_012569	SLC39A10	chr2:196521531-196602426	3.35558	2.23015	-0.589419	0.0976116
XLOC_016913	PRDM5	chr4:121615928-121844013	1.35813	0.902825	-0.589102	0.343792
XLOC_016166	IDUA	chr4:972862-998317	4.46303	2.96706	-0.58899	0.376356
XLOC_013293	PGAP1	chr2:197697727-197791454	0.904284	0.60141	-0.588427	0.148137
XLOC_021369	CTAGE6P	chr7:143452181-143454843	0.0411829	0.027408	-0.587451	1
XLOC_020727	FSCN3	chr7:127233688-127241851	0.0242106	0.0161216	-0.586645	1
XLOC_017398	SH3RF2	chr5:145316125-145442879	0.433678	0.288821	-0.586448	0.59533
XLOC_005551	CYP27B1	chr12:58156116-58160976	2.2385	1.49116	-0.586101	0.349708
XLOC_004837	AQP6	chr12:50366619-50370922	0.0178114	0.0118664	-0.585921	1
XLOC_000253	IQCC	chr1:32671235-32674288	1.47052	0.979716	-0.585886	0.375852
XLOC_012378	ZC3H6	chr2:113033177-113097640	0.180822	0.120496	-0.585591	1
XLOC_010893	ZNF526	chr19:42724491-42732353	4.05473	2.70211	-0.58552	0.152079
XLOC_011842	RRAS	chr19:50138551-50143400	32.8371	21.8848	-0.585399	0.122719
XLOC_007733	MEX3B	chr15:82334118-82338484	0.984227	0.65614	-0.584987	0.439308
XLOC_015848	SENP7	chr3:101043117-101232085	1.10672	0.738031	-0.584533	0.242802
XLOC_000590	C1orf162	chr1:112016603-112021134	0.868679	0.579314	-0.584478	0.688092
XLOC_007420	MCTP2	chr15:94841429-95027181	0.764396	0.509865	-0.584206	0.412597
XLOC_004822	CACNB3	chr12:49208214-49222726	22.0379	14.7412	-0.580129	0.0634008
XLOC_009923	AMZ2P1	chr17:62962667-62971703	2.0607	1.37841	-0.580123	0.22341
XLOC_002052	RASAL2-AS1	chr1:178060642-178448648	0.060022	0.040165	-0.579555	1
XLOC_005630	CCDC41	chr12:94702055-94853764	1.97825	1.32396	-0.579357	0.221487
XLOC_001629	SYDE2	chr1:85623355-85666728	1.65617	1.10864	-0.579055	0.214151
XLOC_017430	GPX3	chr5:150399998-150408554	0.0236473	0.015832	-0.578833	1
XLOC_008204	NFAT5	chr16:69599868-69738569	3.37597	2.26114	-0.578254	0.064033
XLOC_018249	PACSIN1	chr6:34433837-34503000	0.0421573	0.0282408	-0.578002	1
XLOC_015442	GPR160	chr3:169755734-169803183	18.917	12.6741	-0.577798	0.0881203
XLOC_004680	CD4	chr12:6898637-6929976	0.0674802	0.0452145	-0.577679	1
XLOC_016388	FAM47E,FAM47E	chr4:77135192-77232283	7.60138	5.09456	-0.577304	0.104245

XLOC_006853	ZBTB25	chr14:64953554-64970554	2.91962	1.95746	-0.5768	0.33192
XLOC_018596	CCR6	chr6:167525294-167552629	0.0805158	0.0540309	-0.575489	1
XLOC_017426	SYNPO	chr5:149980641-150038792	0.606319	0.406942	-0.575252	0.437301
XLOC_015186	GXYLT2	chr3:72937384-73024522	0.610254	0.409594	-0.575213	0.647073
XLOC_022719	ERMP1	chr9:5784571-5833081	4.10272	2.7537	-0.575208	0.118071
XLOC_014162	MORC3	chr21:37692486-37748944	3.51518	2.36059	-0.57445	0.12195
XLOC_012236	DYSF	chr2:71680752-71913893	0.157529	0.105798	-0.574306	1
XLOC_012197	C2orf74	chr2:61372242-61391964	0.0980508	0.0658735	-0.573831	1
XLOC_007819	LOC100134368	chr16:432240-442960	0.256836	0.172597	-0.573437	1
XLOC_014992	ZCWPW2	chr3:28431986-28566632	0.0884016	0.0594172	-0.573193	1
XLOC_014650	MAPK8IP2	chr22:51039130-51049979	1.13257	0.761564	-0.572568	0.510347
XLOC_013621	MYH7B	chr20:33543703-33680618	0.0476916	0.0320701	-0.572505	1
XLOC_009451	DLG4	chr17:7093209-7128586	20.2561	13.6231	-0.572293	0.67336
XLOC_001673	LRRC39	chr1:100598705-100643829	0.512375	0.344679	-0.571949	0.839471
XLOC_007546	STRC	chr15:43663312-43910998	0.128784	0.0866611	-0.571493	1
XLOC_000761	POU5F1P4	chr1:155305051-155533735	0.0455317	0.0306407	-0.571425	1
XLOC_015137	DNAH1	chr3:52350334-52434513	0.179333	0.120718	-0.570992	1
XLOC_007849	BAIAP3	chr16:1383605-1401873	2.06484	1.39	-0.57094	0.861774
XLOC_017763	PJA2	chr5:108670409-108745675	3.36353	2.26579	-0.56996	0.128429
XLOC_009514	TEKT3	chr17:15207128-15244958	0.207874	0.140036	-0.569908	1
XLOC_010099	TGIF1	chr18:3412071-3458406	39.4078	26.5555	-0.569473	0.0784883
XLOC_021098	STAG3L3	chr7:72467988-72476448	0.417252	0.281208	-0.569284	0.679452
XLOC_006461	ESRRB	chr14:76837689-76968180	0.187979	0.126707	-0.569071	1
XLOC_018350	LOC730101	chr6:52529198-52533951	1.47326	0.993245	-0.568795	0.285815
XLOC_011966	COX6B2	chr19:55861069-55866182	0.620398	0.418324	-0.568574	0.699213
XLOC_001723	RSBN1	chr1:114304453-11435070	2.44214	1.64686	-0.568429	0.140686
XLOC_007377	ALPK3	chr15:85359910-85416713	0.024141	0.0162846	-0.567972	1
XLOC_003955	MUC6	chr11:1012823-1036706	0.0581998	0.0392728	-0.567482	1
XLOC_009080	CNTD1	chr17:40950853-40976310	0.226839	0.153145	-0.566765	1
XLOC_018321	C6orf223	chr6:43968336-43973694	0.0775059	0.0523342	-0.566552	1
XLOC_007688	CYP1A1	chr15:75011882-75017877	0.324869	0.219378	-0.566437	1
XLOC_011083	ZNF610	chr19:52839497-52870376	0.0508827	0.0343656	-0.566209	1
XLOC_006066	N4BP2L2-IT2	chr13:33006929-33112936	0.415793	0.281024	-0.565173	0.89301
XLOC_017778	SEMA6A	chr5:115779250-115910551	0.0428255	0.0289475	-0.565033	1
XLOC_014822	LOC400927	chr22:38740669-38794931	1.21	0.818107	-0.564649	0.784659
XLOC_004809	ANO6	chr12:45566816-45834187	11.6166	7.85652	-0.564223	0.0860839
XLOC_021171	PON3	chr7:94989183-95025687	0.773529	0.523179	-0.564149	0.631566
XLOC_000333	MPL	chr1:43803474-43820135	0.0558254	0.0377638	-0.56392	1
XLOC_001320	LOC100506730	chr1:19619740-19622230	2.38187	1.6114	-0.563778	0.286272
XLOC_011315	MATK	chr19:3777966-3801810	1.62044	1.09637	-0.563648	0.518395
XLOC_017934	C5orf54	chr5:159820154-159827060	1.17894	0.797673	-0.563625	0.394465
XLOC_023550	TBC1D8B	chrX:106045918-106119377	0.729999	0.494337	-0.5624	0.452276
XLOC_020878	INSIG1	chr7:155089485-155101945	12.0902	8.18784	-0.562279	0.100423
XLOC_009474	PER1	chr17:8043787-8055753	5.10662	3.46086	-0.561238	0.159184
XLOC_003783	TMEM133	chr11:100862810-100864666	0.5026	0.340715	-0.560845	0.61138
XLOC_000089	PLOD1	chr1:11994723-12035599	103.118	69.9141	-0.560644	0.077173
XLOC_010825	ZNF793	chr19:37997840-38034239	0.0100853	0.00683997	-0.560192	1
XLOC_016909	FABP2	chr4:120238404-120243316	0.00649185	0.00440392	-0.55984	1
XLOC_009127	LRRC37A2	chr17:44590075-44657088	0.210796	0.143041	-0.559417	1

XLOC_001611	CRYZ	chr1:75171171-75232360	18.2516	12.3858	-0.559343	0.384475
XLOC_008219	CALB2	chr16:71392615-71424342	16.6829	11.3217	-0.559284	0.132239
XLOC_022816	CD72	chr9:35605280-35618424	0.61068	0.41451	-0.559008	0.937886
XLOC_015012	GOLGA4	chr3:37284681-37408370	2.39298	1.62454	-0.55878	0.164242
XLOC_005209	ZNF10	chr12:133707213-133736049	2.47346	1.67978	-0.558261	0.169914
XLOC_022340	TMEM8B	chr9:35829221-35854844	4.46725	3.03383	-0.558248	0.286272
XLOC_003427	CRY2	chr11:45868668-45904799	4.58024	3.11061	-0.558224	0.153799
XLOC_002202	CAPN8	chr1:223714971-223853436	0.0295038	0.0200373	-0.558212	1
XLOC_022267	SLC1A1	chr9:4490426-4587469	2.01801	1.37085	-0.557863	0.246092
XLOC_016751	AASDH	chr4:57204456-57253638	2.22601	1.51274	-0.557294	0.235343
XLOC_009936	ABCA9	chr17:66970772-67057136	0.011727	0.00796977	-0.55722	1
XLOC_000694	CGN	chr1:151483861-151511167	1.80066	1.224	-0.556921	0.26191
XLOC_011223	ZNF17	chr19:57922528-57933307	1.35017	0.91805	-0.556498	0.351582
XLOC_011739	ZNF235	chr19:44790500-44809178	0.39578	0.269154	-0.556268	0.546288
XLOC_000908	AXDND1	chr1:179334854-179545084	0.656347	0.446391	-0.556152	0.419248
XLOC_022529	LOC100288842	chr9:123555774-123561009	0.97501	0.663194	-0.555987	0.774461
XLOC_013178	RBM43	chr2:152104727-152118389	1.60076	1.08887	-0.55592	0.276847
XLOC_000520	LOC729970	chr1:95393583-95428826	1.88595	1.28287	-0.55591	0.525673
XLOC_011389	MYO1F	chr19:8585673-8642331	0.113302	0.077081	-0.555722	1
XLOC_023201	PNPLA7	chr9:140354404-140444986	1.81311	1.23386	-0.555281	0.314399
XLOC_009368	NXN	chr17:702552-882998	10.8682	7.39795	-0.554914	0.133822
XLOC_010088	ROCK1P1	chr18:109064-122222	0.366047	0.249238	-0.554503	1
XLOC_009248	LOC440461	chr17:66194800-66196443	0.135278	0.0921392	-0.554037	1
XLOC_010889	CD79A	chr19:42381189-42385439	0.935382	0.637319	-0.553541	0.637594
XLOC_005065	HCFC2	chr12:104458235-104500304	0.715087	0.487282	-0.553362	0.331994
XLOC_002585	KIF20B	chr10:91461366-91534700	1.032	0.703329	-0.553173	0.266026
XLOC_002619	C10orf12	chr10:98741040-98745585	0.55038	0.375173	-0.552872	0.438842
XLOC_011361	C3	chr19:6677845-6720662	0.00840964	0.00573274	-0.552819	1
XLOC_020550	CLIP2	chr7:73703804-73820273	17.587	11.9921	-0.552422	0.0763878
XLOC_014937	IL17RE	chr3:9944295-9958084	0.783729	0.534694	-0.551642	0.564045
XLOC_007696	MAN2C1	chr15:75648132-75660968	11.6091	7.92213	-0.551301	0.131988
XLOC_016958	NR3C2	chr4:148999914-149363672	0.243273	0.166025	-0.551179	1
XLOC_003493	SERPING1	chr11:57365026-57382326	0.0393684	0.026868	-0.551153	1
XLOC_005077	C12orf23	chr12:107349543-107367813	11.5681	7.89517	-0.551111	0.0878381
XLOC_022290	SH3GL2	chr9:17578952-17797122	0.0367046	0.0250605	-0.550542	1
XLOC_013300	FONG	chr2:200625258-200715896	1.58572	1.08298	-0.550131	0.668024
XLOC_015632	PLCD1	chr3:38048986-38071154	4.08698	2.79155	-0.549969	0.266026
XLOC_014498	CABP7	chr22:30116343-30162969	0.07702	0.0526157	-0.54974	1
XLOC_006666	CRIP2	chr14:105939274-105946507	31.6571	21.6324	-0.549332	0.1743
XLOC_018712	ZSCAN12	chr6:28346597-28367544	0.602853	0.411961	-0.5493	0.430428
XLOC_010772	ZNF30	chr19:35417806-35436076	0.588155	0.402055	-0.548803	0.533928
XLOC_016057	PHC3	chr3:169805367-169899537	1.69158	1.15643	-0.548685	0.125565
XLOC_007735	GOLGA6L10	chr15:82633122-82641706	0.0358307	0.0245	-0.548412	1
XLOC_000552	FAM102B	chr1:109102970-109181949	1.84601	1.26254	-0.548077	0.204323
XLOC_008122	MT1JP	chr16:56669650-56670998	1.22777	0.839802	-0.547916	0.840893
XLOC_022842	LOC100289137	chr9:38540563-38545369	2.98395	2.04129	-0.547742	0.274062
XLOC_008531	STX1B	chr16:31000576-31021829	0.635345	0.434758	-0.547329	0.460999
XLOC_010898	LOC100996307	chr19:42901299-43156507	0.243157	0.16647	-0.546624	1
XLOC_003747	TMEM135	chr11:86748885-87039876	2.41309	1.65238	-0.546339	0.105364

XLOC_023627	DDX26B	chrX:134654554-134716460	1.20681	0.826375	-0.546325	0.342693
XLOC_008893	ALKBH5	chr17:18086866-18113267	52.1292	35.6968	-0.546295	0.0732377
XLOC_009067	HSPB9	chr17:40274755-40275371	0.119039	0.0815189	-0.546229	1
XLOC_017980	DDX41	chr5:176938577-176943967	48.6863	33.3541	-0.545653	0.0940496
XLOC_016500	HSPA4L	chr4:128703452-128754526	3.09496	2.12128	-0.544985	0.20701
XLOC_017230	TMEM161B-AS1	chr5:87564698-87732491	2.18736	1.49921	-0.544985	0.59916
XLOC_023045	C5	chr9:123714613-123812554	0.332341	0.227855	-0.544551	1
XLOC_013136	LIMS2	chr2:128395995-128439360	0.0408333	0.0280118	-0.543713	1
XLOC_007498	ATPBD4	chr15:35663169-36151202	3.7882	2.59941	-0.543329	0.282119
XLOC_015532	SLC51A	chr3:195943382-195960301	0.209678	0.143903	-0.543078	1
XLOC_003241	LOC255512	chr11:1330937-1331937	3.13293	2.15054	-0.542818	0.591586
XLOC_013326	KLF7	chr2:207938861-208031970	0.0230743	0.0158403	-0.542687	1
XLOC_004935	NAB2	chr12:57482676-57505196	39.5782	27.1726	-0.542553	0.467415
XLOC_021765	PTP4A3	chr8:142432006-142441620	12.7137	8.72945	-0.542416	0.285666
XLOC_008400	ZNF500	chr16:4800814-4817166	4.19571	2.88173	-0.54198	0.249717
XLOC_022326	IL11RA	chr9:34652181-34662689	0.959608	0.659101	-0.541947	0.581347
XLOC_021088	LOC493754	chr7:66018552-66043498	5.19441	3.56918	-0.541368	0.1743
XLOC_010789	GAPDHS	chr19:36024313-36038429	0.223595	0.153662	-0.541125	1
XLOC_020513	CCT6P3	chr7:64498731-64535091	3.22337	2.21551	-0.540932	0.259004
XLOC_011060	MGC45922	chr19:51320936-51322134	0.41186	0.283244	-0.540107	0.858729
XLOC_011993	ZNF416	chr19:58082933-58090243	3.88007	2.66899	-0.539788	0.222759
XLOC_010602	ZNF440	chr19:11925106-11946016	2.86688	1.97276	-0.539267	0.180192
XLOC_003611	TIGD3	chr11:65122281-65125082	2.2966	1.58037	-0.539235	0.474059
XLOC_016268	RBPJ	chr4:26321331-26436752	9.37267	6.45023	-0.539109	0.0923379
XLOC_005787	RIMBP2	chr12:130880680-131002410	0.0121625	0.00837253	-0.538705	1
XLOC_008180	RLTPR	chr16:67679029-67694718	0.0474168	0.0326419	-0.538676	1
XLOC_010510	KDM4B	chr19:4969123-5153608	12.5316	8.62931	-0.538247	0.117237
XLOC_020371	GLCC1	chr7:8008373-8128709	0.779691	0.536942	-0.538137	0.419248
XLOC_010911	ZNF230	chr19:44507076-44518072	0.840035	0.578658	-0.537774	0.375271
XLOC_011013	LIN7B	chr19:49617617-49622397	2.78345	1.9175	-0.537648	0.705248
XLOC_021085	LOC441242	chr7:65111923-65235797	0.0550239	0.0379072	-0.537587	1
XLOC_021114	STAG3L2	chr7:74298262-74306731	1.59225	1.09695	-0.537566	0.506451
XLOC_022508	KIAA1958	chr9:115249247-115422706	0.655949	0.451958	-0.537396	0.570316
XLOC_008722	SNAI3	chr16:88729780-88753594	2.18709	1.50698	-0.537351	0.703553
XLOC_008728	PABPN1L	chr16:88929747-88933068	0.0436626	0.0300941	-0.536919	1
XLOC_002129	ETNK2	chr1:204100189-204121307	1.20504	0.830577	-0.5369	0.508136
XLOC_011565	ZNF708	chr19:21473962-21512212	1.22335	0.843225	-0.536843	0.330706
XLOC_004765	SLCO1B7	chr12:21168629-21243040	0.338056	0.233089	-0.536381	1
XLOC_021505	PDLIM2	chr8:22436253-22455538	135.13	93.1757	-0.536317	0.0900926
XLOC_021763	DENND3	chr8:142138719-142205900	1.03255	0.711985	-0.536287	0.382564
XLOC_001347	ZNF436	chr1:23685940-23698330	1.58166	1.09093	-0.535887	0.305306
XLOC_020735	FLJ45340	chr7:128281294-128301052	4.59597	3.17007	-0.535852	0.112663
XLOC_008106	IRX6	chr16:55358470-55364672	0.0262727	0.0181288	-0.535285	1
XLOC_021131	FGL2	chr7:76751933-76924521	0.00324626	0.00224117	-0.534528	1
XLOC_013811	TMEM74B	chr20:1161214-1165117	15.2692	10.5436	-0.534252	0.15618
XLOC_023461	NLGN3	chrX:70364680-70391051	0.853449	0.589355	-0.534166	0.484507
XLOC_005808	FGF9	chr13:22245214-22278640	0.523652	0.36162	-0.534134	0.487462
XLOC_007717	ACSBG1	chr15:78463186-78527049	0.0937339	0.0647439	-0.533826	1
XLOC_005384	SLC2A13	chr12:40148822-40499661	0.480312	0.3318	-0.533659	0.419912

XLOC_002646	SEMA4G	chr10:102732285-102747272	4.3563	3.00943	-0.533612	0.713685
XLOC_018874	GUCA1B	chr6:42151021-42162694	1.41787	0.979766	-0.533215	0.45742
XLOC_015875	SPICE1	chr3:113161564-113234034	1.23862	0.856014	-0.533303	0.28785
XLOC_013634	MYL9	chr20:35169886-35178226	76.2918	52.7259	-0.533016	0.0981523
XLOC_000133	MST1P2	chr1:16972068-16976915	1.02656	0.709514	-0.532914	0.556537
XLOC_000439	AK4	chr1:65613231-65697828	17.0275	11.7692	-0.532854	0.094542
XLOC_006984	CKB	chr14:103985994-103989196	7.08913	4.90053	-0.53267	0.389589
XLOC_009323	CCDC40	chr17:78010430-78074412	0.474376	0.328021	-0.532241	0.554994
XLOC_009602	EVI2B	chr17:29421944-29704695	0.0180286	0.0124705	-0.531767	1
XLOC_010004	DNAH17	chr17:76374734-76573476	0.191014	0.132256	-0.530348	1
XLOC_008949	PIPOX	chr17:27369917-27384236	0.110826	0.0767391	-0.530261	1
XLOC_005364	C12orf71	chr12:27233989-27235455	0.0673369	0.0466583	-0.529265	1
XLOC_009345	NPB	chr17:79860071-79869340	1.05382	0.730223	-0.529224	0.96692
XLOC_021814	C8orf42	chr8:439789-495781	0.00993532	0.00688498	-0.529113	1
XLOC_017173	LOC441081	chr5:69776869-69881549	0.222567	0.15428	-0.528685	1
XLOC_010487	CACTIN-AS1	chr19:3607244-3626813	0.148617	0.103061	-0.528099	1
XLOC_018903	CYP39A1	chr6:46517444-46620523	0.419349	0.290878	-0.527738	0.637815
XLOC_023831	ZNF41	chrX:47305560-47342345	0.298981	0.207436	-0.527388	1
XLOC_000276	ZMYM1	chr1:35544971-35581455	2.08257	1.44505	-0.527252	0.239441
XLOC_005022	PLEKHG7	chr12:93130264-93165868	0.00420957	0.00292129	-0.527067	1
XLOC_018935	KLHL31	chr6:53512698-53530506	0.0365316	0.0253574	-0.52674	1
XLOC_017096	NPR3	chr5:32710742-32791830	0.0160495	0.0111408	-0.526673	1
XLOC_011465	SYCE2	chr19:13001973-13030086	1.49011	1.03445	-0.526561	0.928378
XLOC_004764	SLCO1B3	chr12:20963637-21069843	9.1775	6.37144	-0.526482	0.126915
XLOC_004876	LOC100652999	chr12:53901639-54020199	0.167411	0.116231	-0.526396	1
XLOC_018449	KIAA1919	chr6:111580481-111590261	0.605973	0.420742	-0.526318	0.502187
XLOC_023484	UPRT	chrX:74493893-74524732	5.94304	4.12729	-0.526006	0.20598
XLOC_012333	NPAS2	chr2:101436612-101613287	8.5934	5.97021	-0.525448	0.146782
XLOC_013858	JAG1	chr20:10618331-10654694	1.55026	1.07753	-0.524783	0.285746
XLOC_004580	MIR100HG	chr11:121959810-122073770	0.00450269	0.00313034	-0.524469	1
XLOC_000987	ATP2B4	chr1:203595914-203713209	1.59373	1.10841	-0.523909	0.211369
XLOC_012046	KLF11	chr2:10183681-10194963	1.76144	1.22506	-0.523904	0.296127
XLOC_003108	KCNIP2	chr10:103578824-103603677	0.254931	0.177349	-0.523514	1
XLOC_023027	KIF12	chr9:116853917-116861337	0.988512	0.687932	-0.522992	0.626245
XLOC_023755	MID1	chrX:10413349-10851809	0.0267808	0.0186383	-0.522929	1
XLOC_024203	F8	chrX:154064063-154250998	3.18334	2.21615	-0.522483	0.418727
XLOC_012374	BCL2L11	chr2:111878490-111926022	2.43517	1.69596	-0.521926	0.246196
XLOC_002779	LOC619207	chr10:135267431-135281953	0.160026	0.111452	-0.521882	1
XLOC_011444	ZNF20,ZNF625	chr19:12242167-12267546	1.96268	1.36703	-0.521785	0.319187
XLOC_004626	ARHGAP32	chr11:128834954-129062093	1.63015	1.13542	-0.521776	0.189324
XLOC_015499	EIF4A2	chr3:186501360-186524484	153.747	107.129	-0.52121	0.148853
XLOC_015045	NKTR	chr3:42589458-42690233	1.54728	1.0782	-0.521105	0.646217
XLOC_012505	SP5	chr2:171571856-171574498	0.680874	0.47457	-0.520766	0.764456
XLOC_021788	SPATC1	chr8:145086581-145102015	0.0920123	0.0641381	-0.520644	1
XLOC_023904	AMER1	chrX:63404996-63425624	0.631123	0.440043	-0.520276	0.363109
XLOC_011234	ZNF776	chr19:58258163-58269527	1.39322	0.972005	-0.519392	0.284182
XLOC_016217	CPZ	chr4:8594386-8621488	25.666	17.9067	-0.51936	0.141952
XLOC_021807	ZNF517	chr8:146024260-146034529	7.12534	4.97263	-0.518951	0.280619
XLOC_023117	LOC100272217	chr9:133452736-133454881	0.833035	0.581371	-0.518918	0.589734

XLOC_022738	PLIN2	chr9:19115758-19127604	38.8877	27.1398	-0.518906	0.115592
XLOC_017579	CMBL	chr5:10277706-10308168	18.3938	12.838	-0.5188	0.108871
XLOC_012940	PELI1	chr2:64319785-64371605	1.98096	1.38317	-0.518221	0.315938
XLOC_001421	MTMR9LP	chr1:32697260-32707311	3.23023	2.25695	-0.517264	0.412343
XLOC_006394	SYNE2	chr14:64319682-64693167	2.67159	1.86669	-0.517215	0.424678
XLOC_017387	PCDHGA1,PCDH1	chr5:140710251-140892548	7.79943	5.45181	-0.516635	0.268574
XLOC_010641	ZNF333	chr19:14800869-14831772	1.0386	0.72599	-0.51662	0.419619
XLOC_004719	CLEC2D	chr12:9822303-9852151	0.564289	0.394565	-0.516171	0.435859
XLOC_002530	C10orf11	chr10:77542518-78317126	13.592	9.50435	-0.516098	0.265881
XLOC_007193	GATM-AS1	chr15:45653321-45672321	0.088447	0.061855	-0.515924	1
XLOC_015086	KIF9-AS1	chr3:47205859-47388306	0.329872	0.2307	-0.515888	1
XLOC_013351	PECR	chr2:216903110-216946539	3.41442	2.38835	-0.515625	0.325655
XLOC_011653	SIRT2	chr19:39369194-39399534	38.7815	27.137	-0.515104	0.347688
XLOC_007580	DMXL2	chr15:51739920-51914967	2.08552	1.45987	-0.514569	0.173509
XLOC_008008	AQP8	chr16:25228284-25240253	0.123982	0.0868282	-0.513896	1
XLOC_009266	GPRC5C	chr17:72427666-72443568	0.269725	0.188909	-0.513799	1
XLOC_015965	MSL2	chr3:135867759-135914688	4.8459	3.39457	-0.513534	0.169244
XLOC_017545	SLC9A3	chr5:473333-524549	0.455775	0.319307	-0.513375	0.726456
XLOC_016903	ARSJ	chr4:114821439-114900878	2.01439	1.4116	-0.513016	0.272973
XLOC_010603	ZNF439	chr19:11976843-11980306	1.39539	0.978132	-0.512566	0.423783
XLOC_002772	KNDC1	chr10:134973970-135039916	0.923208	0.647383	-0.512035	0.458151
XLOC_010318	DSC3	chr18:28570051-28622781	0.00203905	0.00142989	-0.511993	1
XLOC_009941	LINC00673	chr17:70399462-70588943	0.37679	0.264236	-0.511935	0.723759
XLOC_012321	LOC728537	chr2:98286205-98319529	1.04538	0.733371	-0.511406	0.612746
XLOC_021252	EFCAB10	chr7:105172531-105221976	0.69335	0.486424	-0.51137	0.938441
XLOC_022190	ZFAT	chr8:135490030-135725292	1.47465	1.03489	-0.510888	0.35997
XLOC_002560	SNCG	chr10:88718287-88723017	0.0802452	0.0563348	-0.510389	1
XLOC_015027	TTC21A	chr3:39149151-39180394	0.290136	0.203716	-0.51017	1
XLOC_006093	KBTBD7	chr13:41765710-41768702	0.248993	0.174866	-0.50986	1
XLOC_011055	SNAR-F	chr19:51108219-51108342	11.7813	8.27402	-0.509844	0.824472
XLOC_001566	FAM151A	chr1:55013806-55100417	0.310151	0.217825	-0.5098	1
XLOC_000236	GMEB1	chr1:28995239-29042115	2.05851	1.44588	-0.509654	0.349308
XLOC_017325	SEC24A	chr5:133984474-134063601	2.2519	1.58183	-0.509548	0.207194
XLOC_019125	PLAGL1	chr6:144261436-144385735	11.6854	8.21067	-0.509137	0.171199
XLOC_009462	ZBTB4	chr17:7362684-7387568	7.7203	5.42465	-0.509127	0.140298
XLOC_018948	B3GAT2	chr6:71377478-71666788	1.39222	0.978404	-0.508885	0.869275
XLOC_009989	UBE2O	chr17:74385612-74449288	9.73684	6.84377	-0.508663	0.131526
XLOC_010608	ZNF788	chr19:12203077-12225494	0.0783746	0.0550949	-0.508467	1
XLOC_007219	TMOD3	chr15:52121824-52204331	5.01131	3.52307	-0.508354	0.165955
XLOC_002489	DDX50	chr10:70661033-70706603	29.187	20.5195	-0.508334	0.112314
XLOC_005011	METTL25	chr12:82746082-82873016	0.633833	0.446005	-0.507043	0.91689
XLOC_007682	LOC283731	chr15:74418713-74421619	0.0298051	0.0209735	-0.506992	1
XLOC_011179	FCAR	chr19:55385548-55401839	0.0128753	0.00906195	-0.506714	1
XLOC_011447	ZNF442	chr19:12460184-12476475	0.452777	0.318706	-0.506576	0.620958
XLOC_005837	USPL1	chr13:31191829-31233686	2.55374	1.79757	-0.506569	0.26469
XLOC_021125	TMEM120A	chr7:75544419-75623992	32.5675	22.9257	-0.506468	0.642777
XLOC_008681	CFDP1	chr16:75327607-75467387	26.0223	18.3237	-0.506041	0.153369
XLOC_018367	PHF3	chr6:64356430-64424405	5.73472	4.03831	-0.505973	0.132239
XLOC_005754	LOC338799	chr12:122233172-122241390	2.40043	1.69063	-0.505731	0.531494

XLOC_005549	AGAP2	chr12:58118075-58135944	0.503455	0.354622	-0.505579	0.911564
XLOC_016491	BBS12	chr4:123653856-123666098	1.0902	0.767918	-0.505563	0.434764
XLOC_007195	C15orf48	chr15:45722726-45725647	0.155732	0.109708	-0.505396	1
XLOC_000424	INADL	chr1:62208148-62629591	1.75864	1.23892	-0.505371	0.204028
XLOC_020745	LOC407835	chr7:128766324-128768050	0.0451871	0.0318357	-0.505265	1
XLOC_016845	FAM13A	chr4:89630939-89978346	1.51881	1.07011	-0.505177	0.297472
XLOC_009227	LOC729683	chr17:61777697-61780045	0.539975	0.380478	-0.505081	0.722238
XLOC_018752	POU5F1	chr6:31132113-31138451	0.086987	0.0613215	-0.504407	1
XLOC_022055	TPD52	chr8:80947104-81083836	32.7947	23.1265	-0.503914	0.121719
XLOC_018070	FAM8A1	chr6:17600517-17611950	1.43732	1.0136	-0.503889	0.334038
XLOC_013014	LOC100630918	chr2:85764589-85766009	2.09162	1.47527	-0.503639	0.550777
XLOC_011486	DNAJB1	chr19:14625581-14629201	71.0447	50.1136	-0.503523	0.128171
XLOC_023489	ATP7A	chrX:77166193-77305892	0.562277	0.396706	-0.503212	0.390341
XLOC_005136	SIRT4	chr12:120740123-120751045	1.85362	1.30781	-0.503196	0.588016
XLOC_002570	CFL1P1	chr10:89578069-89605369	0.0631064	0.0445303	-0.503	1
XLOC_011387	PRAM1	chr19:8554939-8567538	0.230779	0.162865	-0.502836	1
XLOC_009159	ITGA3	chr17:48133339-48167849	42.2922	29.8466	-0.502824	0.125565
XLOC_014587	TEF	chr22:41763336-41795332	2.36314	1.66853	-0.502124	0.318076
XLOC_013915	HM13-AS1	chr20:30102240-30161066	0.278999	0.197039	-0.501782	1
XLOC_015764	ITIH4	chr3:52847005-52864717	0.357491	0.252474	-0.501771	1
XLOC_015806	SUCLG2	chr3:67410883-67705038	27.4361	19.382	-0.501358	0.129159
XLOC_005807	MIPEPP3	chr13:21872263-22033508	0.422796	0.298768	-0.500937	0.960032
XLOC_002566	FAM22D	chr10:89117476-89130452	0.181928	0.128561	-0.500915	1
XLOC_021987	PCMTD1	chr8:52730139-52811735	2.72364	1.92471	-0.500893	0.243499
XLOC_021656	CA3	chr8:86351055-86361267	0.687138	0.485754	-0.500375	0.657627
XLOC_016071	ZMAT3	chr3:178735010-178789656	3.22738	2.28181	-0.500185	0.164535
XLOC_013887	NAPB	chr20:23355155-23402156	1.77603	1.25612	-0.499681	0.333648
XLOC_016064	PLD1	chr3:171318194-171528284	0.219299	0.155222	-0.498565	1
XLOC_002873	ZNF438	chr10:31133564-31320866	1.35172	0.957079	-0.498089	0.462169
XLOC_015237	ZPLD1	chr3:102153858-102198685	0.018481	0.0130895	-0.497629	1
XLOC_004970	MSRB3	chr12:65672422-65860687	0.497287	0.352376	-0.496961	0.531391
XLOC_011823	LHB	chr19:49519236-49520347	2.39218	1.6952	-0.496875	0.771216
XLOC_012814	ATAD2B	chr2:23971533-24149936	0.401916	0.284918	-0.496346	0.455427
XLOC_001796	MTMR11	chr1:149900542-149908791	2.74296	1.94458	-0.496271	0.355674
XLOC_001063	HLX	chr1:221052742-221058400	0.381353	0.270439	-0.495823	0.810133
XLOC_008666	ZNF821	chr16:71893582-71918093	4.7381	3.36029	-0.495723	0.349063
XLOC_018944	LGSN	chr6:63985855-64029882	0.00263543	0.00186946	-0.495419	1
XLOC_015614	NGLY1	chr3:25760434-25831530	17.5301	12.4361	-0.495298	0.143573
XLOC_019141	RAET1K	chr6:150319154-150326280	1.4954	1.06092	-0.49521	0.529456
XLOC_002141	NUAK2	chr1:205271190-205290883	0.272275	0.193182	-0.495109	1
XLOC_007607	MYO1E	chr15:59428167-59665071	5.67968	4.03019	-0.494961	0.155896
XLOC_003042	PANK1	chr10:91339253-91405329	0.293937	0.208633	-0.494544	1
XLOC_011217	ZNF805	chr19:57752052-57774106	1.18019	0.837693	-0.494524	0.260371
XLOC_014558	KDEL3	chr22:38864082-38902345	14.8615	10.5501	-0.494324	0.8626
XLOC_007184	CTDSPL2	chr15:44719578-44819429	2.82955	2.00882	-0.494222	0.227562
XLOC_006270	TMEM253	chr14:21558204-21572863	0.531104	0.377133	-0.493922	0.96692
XLOC_015691	COL7A1	chr3:48601505-48632593	0.598569	0.425056	-0.493864	0.842605
XLOC_000980	LOC148709	chr1:202830881-202844369	0.189312	0.134481	-0.49336	1
XLOC_022316	ANKRD18B	chr9:33524410-33573001	0.00355659	0.0025266	-0.493298	1

XLOC_023923	ZMYM3	chrX:70430034-70948962	7.28454	5.1759	-0.493028	0.905011
XLOC_022437	ANKRD19P	chr9:95571892-95600739	0.806582	0.573142	-0.492928	0.608991
XLOC_020516	CCT6P1	chr7:65111923-65235797	3.30439	2.34881	-0.492456	0.384698
XLOC_008145	GPR56	chr16:57653909-57698944	0.0422518	0.0300372	-0.492263	1
XLOC_021682	PLEKHF2	chr8:96145948-96168913	6.63261	4.71642	-0.491887	0.201416
XLOC_012883	THUMPD2	chr2:39963199-40006416	9.47502	6.7391	-0.491573	0.196771
XLOC_012365	CCDC138	chr2:109403218-109492847	1.08152	0.769434	-0.491184	0.522408
XLOC_021270	C7orf60	chr7:112459201-112579932	3.5532	2.52794	-0.491155	0.234549
XLOC_013241	ATF2	chr2:175936977-176032934	4.09563	2.91502	-0.490578	0.204123
XLOC_021275	ST7-AS1	chr7:116592500-116870075	4.94663	3.52074	-0.490568	0.832978
XLOC_022846	ZNF658	chr9:40771401-40792112	0.235937	0.167958	-0.490305	1
XLOC_010605	ZNF700	chr19:12035882-12061588	3.51289	2.50152	-0.48985	0.28126
XLOC_015370	SLC25A36	chr3:140660661-140698785	14.9841	10.673	-0.489468	0.138886
XLOC_008314	RGS11	chr16:318309-325914	13.2252	9.42582	-0.488595	0.2196
XLOC_013927	SNTA1	chr20:31995762-32031698	15.0774	10.7495	-0.488118	0.227385
XLOC_006197	GPR183	chr13:99848627-100058554	0.00901928	0.00643091	-0.48799	1
XLOC_009563	LYRM9	chr17:26205339-26220409	3.0314	2.16152	-0.487937	0.499226
XLOC_007621	DAPK2	chr15:64199234-64338521	0.739292	0.527259	-0.487634	0.604499
XLOC_000846	RGS4	chr1:163038395-163046592	10.4933	7.48437	-0.487517	0.158909
XLOC_010424	GZMM	chr19:544033-549920	0.287094	0.204788	-0.487395	1
XLOC_022961	ZNF510	chr9:99518146-99540328	1.63425	1.1662	-0.486809	0.289507
XLOC_007205	GALK2	chr15:49447975-49913118	9.71129	6.93187	-0.486417	0.173695
XLOC_015374	RASA2	chr3:141205925-141331197	0.593857	0.42393	-0.486291	0.601696
XLOC_001497	SLC2A1	chr1:43391045-43449029	89.4849	63.8804	-0.486271	0.139366
XLOC_004561	LOC100131626	chr11:118230295-118289530	0.0566076	0.0404115	-0.48623	1
XLOC_011462	RTBDN	chr19:12936290-12946242	0.792742	0.566038	-0.485953	0.781103
XLOC_022878	KLF9	chr9:72999512-73029573	1.26157	0.900954	-0.485697	0.398125
XLOC_013374	ABCB6	chr2:220074487-220083712	9.95282	7.1107	-0.485113	0.244537
XLOC_017480	FGF18	chr5:170846666-170884630	0.211512	0.151134	-0.484918	1
XLOC_010914	ZNF284	chr19:44576296-44591623	0.738776	0.527919	-0.48482	0.59237
XLOC_016249	BST1	chr4:15704572-15733796	0.442867	0.316496	-0.484684	0.781034
XLOC_007177	MAP1A	chr15:43663312-43910998	0.137235	0.0980761	-0.484675	1
XLOC_014550	GCAT	chr22:38203911-38213183	109.791	78.4663	-0.484615	0.15255
XLOC_011999	ZNF417	chr19:58417141-58427978	0.486393	0.347629	-0.484571	0.527718
XLOC_010916	ZNF225	chr19:44617547-44637255	0.59567	0.42578	-0.484406	0.581797
XLOC_008885	NT5M	chr17:17206679-17250977	9.9987	7.14839	-0.484121	0.334498
XLOC_003301	DNHD1	chr11:6518525-6593254	0.819319	0.585758	-0.484121	0.626566
XLOC_008610	CCDC79	chr16:66788878-66835523	0.00560309	0.00400599	-0.484063	1
XLOC_010495	EBI3	chr19:4229539-4237524	0.409221	0.2926	-0.483952	0.854567
XLOC_010990	ZNF114	chr19:48774653-48790863	7.24313	5.18054	-0.48351	0.247848
XLOC_012139	GPATCH11	chr2:37311593-37323738	1.14707	0.820561	-0.483265	0.616012
XLOC_005360	BHLHE41	chr12:26272958-26278003	2.80096	2.00386	-0.483138	0.321184
XLOC_006329	MIPOL1	chr14:37667117-38020464	0.342999	0.245433	-0.482873	1
XLOC_013997	WFDC10B	chr20:44313289-44337456	0.192255	0.137619	-0.482344	1
XLOC_017792	RAPGEF6	chr5:130759613-130970929	1.03393	0.740295	-0.481967	0.307517
XLOC_007834	RHBDL1	chr16:726074-728267	2.17519	1.55833	-0.48114	0.642161
XLOC_004176	C1QTNF4	chr11:47611215-47615961	0.731552	0.5241	-0.481119	0.852189
XLOC_006832	C14orf37	chr14:58470807-58618847	1.23949	0.888035	-0.48106	0.462752
XLOC_002954	RHOBTB1	chr10:62629197-62761198	0.476119	0.34118	-0.480786	0.571989

XLOC_003326	WEE1	chr11:9595227-9611313	25.4263	18.2207	-0.480743	0.152767
XLOC_001683	SLC25A24	chr1:108677343-108742980	4.48332	3.2131	-0.480603	0.233004
XLOC_011593	ZNF599	chr19:35248978-35264134	0.375911	0.269409	-0.480594	0.665303
XLOC_000984	BTG2	chr1:203274663-203278729	10.1817	7.2971	-0.480581	0.214827
XLOC_014436	HIC2	chr22:21771692-21805750	1.6528	1.18471	-0.480382	0.354262
XLOC_015951	LOC339874	chr3:130745693-131100319	0.219327	0.157247	-0.480052	1
XLOC_006994	AHNAK2	chr14:105403590-105444694	1.60703	1.15219	-0.480015	0.188723
XLOC_011094	VN1R2	chr19:53761544-53762855	0.026096	0.0187161	-0.479547	1
XLOC_020416	CREB5	chr7:28338939-28865511	2.67245	1.91773	-0.478765	0.215447
XLOC_016823	THAP9-AS1	chr4:83814604-83841284	13.2913	9.54031	-0.478372	0.227562
XLOC_016444	DAPP1	chr4:100737980-100791346	0.00511339	0.00367034	-0.478365	1
XLOC_021284	CADPS2	chr7:121958477-122526813	0.657194	0.471843	-0.478012	0.494479
XLOC_011819	HSD17B14	chr19:49316273-49339934	26.4794	19.0168	-0.477591	0.226046
XLOC_007263	SMAD3	chr15:67358194-67487533	4.04698	2.90672	-0.477456	0.206918
XLOC_010823	ZNF527	chr19:37862058-37883966	0.97461	0.700045	-0.477378	0.405811
XLOC_020370	LOC729852	chr7:7676574-7918851	2.67619	1.92227	-0.477365	0.720043
XLOC_007264	IQCH	chr15:67493012-67819641	0.8858	0.6364	-0.477048	0.945336
XLOC_003836	SIDT2	chr11:117049938-117075508	3.74972	2.69451	-0.476761	0.767959
XLOC_013667	LOC100505783	chr20:42839599-42854667	1.2155	0.873635	-0.476445	0.626914
XLOC_022898	FRMD3	chr9:85857904-86153348	0.0309067	0.0222148	-0.4764	1
XLOC_007745	LOC283693	chr15:83394649-83408532	0.0404941	0.029106	-0.476396	1
XLOC_012561	C2orf88	chr2:191002485-191068210	0.995777	0.715842	-0.476182	0.436399
XLOC_003173	IKZF5	chr10:124750321-124768366	3.70331	2.66292	-0.475806	0.226032
XLOC_009593	SSH2	chr17:27952964-28435470	0.96837	0.696379	-0.475684	0.322788
XLOC_007260	MAP2K1	chr15:66679210-66790146	47.7516	34.3431	-0.475528	0.172285
XLOC_018023	FOXC1	chr6:1610680-1614129	0.00678253	0.0048784	-0.475416	1
XLOC_003440	DDB2	chr11:47236492-47260769	25.8318	18.5799	-0.475403	0.190177
XLOC_020976	HOXA3	chr7:27145808-27166639	0.634729	0.456621	-0.475143	0.685036
XLOC_007492	GOLGA8B	chr15:34817483-34875771	5.08434	3.65842	-0.474839	0.236701
XLOC_021628	XKR9	chr8:71581599-71648177	0.147467	0.106117	-0.47473	1
XLOC_022287	SNAPC3	chr9:15422781-15461627	2.63506	1.89747	-0.473759	0.347779
XLOC_002378	SPAG6	chr10:22634373-22706539	0.00630971	0.00454425	-0.47353	1
XLOC_005371	CAPRIN2	chr12:30862485-30907448	22.2824	16.0506	-0.473276	0.15831
XLOC_008901	TRIM16L	chr17:18625401-18639431	5.51747	3.97456	-0.473211	0.326758
XLOC_018787	LOC100507547	chr6:32120578-32145888	2.69467	1.94155	-0.472897	0.940466
XLOC_013209	COBLL1	chr2:165541257-165697928	0.0950707	0.068519	-0.472498	1
XLOC_004140	ELF5	chr11:34500341-34535347	0.00749716	0.00540347	-0.47246	1
XLOC_004477	FAM76B	chr11:95502105-95522954	1.74679	1.25901	-0.472415	0.361658
XLOC_001299	FBXO42	chr1:16576558-16678948	7.93306	5.71787	-0.4724	0.234263
XLOC_002887	ZNF25	chr10:38238794-38265453	1.72432	1.24296	-0.472255	0.360418
XLOC_004860	KRT86	chr12:52695648-52702947	0.0802082	0.0578216	-0.472141	1
XLOC_020685	MLL5	chr7:104654636-104754532	5.16734	3.72757	-0.471186	0.181992
XLOC_020512	ZNF273	chr7:64363619-64391955	1.14808	0.828292	-0.471018	0.426107
XLOC_007668	MYO9A	chr15:72118360-72433311	0.226848	0.163687	-0.470786	1
XLOC_006743	CBLN3	chr14:24895739-24898731	0.284662	0.205407	-0.470763	1
XLOC_017766	NREP	chr5:110834021-111353003	0.0434422	0.0313506	-0.470606	1
XLOC_016870	MANBA	chr4:103552642-103682151	10.3949	7.50216	-0.470499	0.203478
XLOC_006231	DCUN1D2	chr13:114110133-114145023	3.56873	2.57569	-0.470451	0.343792
XLOC_000045	SMIM1	chr1:3689351-3692546	5.60939	4.04879	-0.470354	0.663419

XLOC_014869	ARFGAP3	chr22:43192531-43253408	6.67077	4.81498	-0.470325	0.260371
XLOC_005831	PDX1	chr13:28494167-28500451	2.32429	1.67793	-0.470111	0.539268
XLOC_016902	CAMK2D	chr4:114372187-114683083	3.97454	2.86968	-0.469896	0.229368
XLOC_001301	CROCCP3	chr1:16793930-16819196	0.350192	0.252925	-0.469433	1
XLOC_012763	SH3YL1	chr2:218135-264068	6.51489	4.70697	-0.468942	0.307111
XLOC_003389	DEPDC7	chr11:33037409-33055128	1.69372	1.2241	-0.46847	0.517375
XLOC_003407	RAG1	chr11:36589562-36601310	0.0631667	0.0456538	-0.468431	1
XLOC_008512	LOC613037	chr16:30234349-30256932	4.69182	3.39168	-0.468149	0.337548
XLOC_017740	FAM172A	chr5:92919042-93447404	2.23568	1.61639	-0.467934	0.57
XLOC_005239	VAMP1	chr12:6561176-6579843	3.72587	2.69388	-0.467894	0.633706
XLOC_005718	TBX3	chr12:115108058-115121969	1.73965	1.25864	-0.46693	0.424678
XLOC_004882	HOXC9	chr12:54393876-54397120	1.48143	1.07193	-0.466784	0.679486
XLOC_002733	PLEKHA1	chr10:124134093-124191871	3.82922	2.77141	-0.466432	0.267205
XLOC_002196	DUSP10	chr1:221874763-221915516	0.889484	0.643867	-0.466205	0.651571
XLOC_004923	ZC3H10	chr12:56512029-56516278	3.15027	2.28096	-0.465835	0.439356
XLOC_022984	GRIN3A	chr9:104331633-104500862	0.0532812	0.0386145	-0.464486	1
XLOC_012973	PAIP2B	chr2:71409867-71454233	2.05138	1.48679	-0.464398	0.29502
XLOC_023935	FAM226A	chrX:72161567-72163589	0.481388	0.34893	-0.464264	0.736361
XLOC_011478	PALM3	chr19:14164178-14169971	13.8671	10.0519	-0.464199	0.218676
XLOC_015251	PHLDB2,PLCXD2	chr3:111393522-111695364	0.58603	0.424853	-0.464011	0.485379
XLOC_016482	METTL14	chr4:119606573-119632077	3.07122	2.22666	-0.463934	0.380666
XLOC_008382	TIGD7	chr16:3348807-3368576	0.126338	0.091636	-0.4633	1
XLOC_008810	ACAP1	chr17:7239847-7254793	0.613426	0.445035	-0.462972	0.698819
XLOC_014089	ZNF512B	chr20:62571181-62601223	0.0469131	0.0340425	-0.462654	1
XLOC_015453	KCNMB2-IT1	chr3:178136988-178175093	0.0354923	0.0257552	-0.462643	1
XLOC_014714	C22orf43	chr22:23950638-23974508	0.186603	0.135414	-0.462594	1
XLOC_021693	OSR2	chr8:99956630-99964326	10.0279	7.27784	-0.46243	0.343792
XLOC_003801	ATM	chr11:108093558-108239826	1.48487	1.07773	-0.462337	0.23883
XLOC_021321	LOC646329	chr7:130565750-130598069	23.3882	16.979	-0.462029	0.179759
XLOC_000523	PTBP2	chr1:97187174-97280605	3.64074	2.64326	-0.461915	0.307111
XLOC_020670	CUX1	chr7:101459183-101927250	26.2965	19.092	-0.461906	0.364942
XLOC_002277	CEP170	chr1:243287729-243418708	0.00190771	0.00138513	-0.461821	1
XLOC_011574	ZNF91	chr19:23540497-23578269	1.04706	0.76068	-0.460984	0.409203
XLOC_001413	FABP3	chr1:31838099-31845923	0.0853518	0.0620233	-0.460612	1
XLOC_011249	ZNF324B	chr19:58962970-58969199	2.67111	1.94168	-0.460134	0.461109
XLOC_017760	EFNA5	chr5:106712589-107006596	0.949627	0.690351	-0.46003	0.472023
XLOC_013169	DARS	chr2:136664253-136743222	61.8936	44.9952	-0.460021	0.176426
XLOC_008546	SLC6A10P	chr16:32888796-32896463	0.0373454	0.0271503	-0.459962	1
XLOC_000569	AMPD2	chr1:110162434-110174677	38.7625	28.1837	-0.459801	0.186094
XLOC_001985	C1orf110	chr1:162824086-162838605	0.168104	0.122265	-0.459342	1
XLOC_008198	HAS3	chr16:69139466-69166493	1.35586	0.986223	-0.459223	0.928548
XLOC_003105	FGF8	chr10:103529886-103540126	1.08515	0.789473	-0.458934	0.773721
XLOC_000336	PTPRF	chr1:43996546-44089343	24.2236	17.6237	-0.458892	0.177166
XLOC_017252	C5orf30	chr5:102594441-102614361	4.83575	3.51875	-0.458678	0.274988
XLOC_002747	LHPP	chr10:126150340-126302710	9.78206	7.1185	-0.458564	0.347606
XLOC_017759	NUDT12	chr5:102884555-102898490	3.29165	2.39556	-0.458448	0.30074
XLOC_014627	PPARA	chr22:46546498-46639653	1.10288	0.803047	-0.457716	0.343199
XLOC_017739	FLJ42709	chr5:92745064-92917003	0.432852	0.315257	-0.457345	0.796752
XLOC_023127	AK8	chr9:135600964-135754198	1.09068	0.794395	-0.457298	0.635064

XLOC_007817	ARHGDIG	chr16:330605-333003	0.561619	0.409058	-0.457286	0.851639
XLOC_017509	FGFR4	chr5:176513920-176525126	13.7033	9.9864	-0.456488	0.243499
XLOC_011453	MAN2B1	chr19:12757321-12777591	27.8977	20.3402	-0.455807	0.193285
XLOC_013040	ZNF514	chr2:95813399-95825263	1.34329	0.979651	-0.455428	0.480199
XLOC_013797	OPRL1	chr20:62711470-62731996	2.25962	1.64798	-0.45538	0.464778
XLOC_010881	BCKDHA	chr19:41903693-41930910	113.265	82.6133	-0.455251	0.199834
XLOC_011294	JSRP1	chr19:2252249-2256422	33.3912	24.355	-0.455247	0.30248
XLOC_007398	SEMA4B	chr15:90728151-90772892	13.1453	9.58803	-0.455241	0.205834
XLOC_007779	IDH2	chr15:90627211-90645708	57.4657	41.9219	-0.454998	0.197245
XLOC_010728	ZNF493	chr19:21579920-21610296	1.07297	0.783031	-0.454464	0.703227
XLOC_000359	LOC400752	chr1:45769581-45771291	0.773456	0.564482	-0.454393	0.722089
XLOC_006106	SLC25A30	chr13:45967453-45992516	0.693812	0.506499	-0.453986	0.576342
XLOC_016851	TSPAN5	chr4:99391517-99579812	3.99568	2.91712	-0.453897	0.343762
XLOC_006410	PLEKHH1	chr14:68000007-68067017	2.15967	1.57682	-0.453794	0.703975
XLOC_011446	ZNF563	chr19:12428303-12444534	0.925918	0.676146	-0.45355	0.565791
XLOC_011434	EPOR	chr19:11487880-11495018	6.2078	4.53492	-0.453006	0.355674
XLOC_005357	IFLTD1	chr12:25629015-25801496	0.012535	0.00915721	-0.452983	1
XLOC_003418	ACCS	chr11:44087728-44105569	1.57618	1.15149	-0.45293	0.597564
XLOC_010019	LOC100294362	chr17:78234659-78411884	0.13414	0.0979988	-0.4529	1
XLOC_016926	ANKRD50	chr4:125585203-125633887	0.974892	0.712241	-0.452876	0.367028
XLOC_011666	EID2B	chr19:40021629-40023494	2.36978	1.73133	-0.452871	0.532954
XLOC_002947	IPMK	chr10:59951277-60027694	1.86784	1.36463	-0.452863	0.304304
XLOC_003847	MLL	chr11:118307204-118397539	0.964678	0.704973	-0.452479	0.28265
XLOC_010275	MYOM1	chr18:3066804-3220106	0.129287	0.094521	-0.451868	1
XLOC_005482	LOC283335	chr12:53436972-53473204	0.483958	0.353895	-0.451559	0.955124
XLOC_013666	TOX2	chr20:42543491-42698254	11.651	8.52419	-0.450826	0.276029
XLOC_010918	ZNF226	chr19:44669214-44681838	4.95454	3.62654	-0.450159	0.523431
XLOC_005539	MYO1A	chr12:57422300-57444549	0.0574095	0.0420271	-0.44997	1
XLOC_022135	ABRA	chr8:107771710-107782472	0.00520017	0.00380706	-0.449882	1
XLOC_023281	REPS2	chrX:16964813-17171403	0.37522	0.274726	-0.449742	0.552302
XLOC_023129	RALGDS	chr9:135973106-136024607	50.1253	36.7076	-0.449459	0.18775
XLOC_015738	CACNA2D2	chr3:50400230-50540892	0.183856	0.134653	-0.449329	1
XLOC_001885	THBS3	chr1:155165378-155177772	2.11157	1.54658	-0.449237	0.452215
XLOC_022156	HAS2	chr8:122625270-122657564	0.359626	0.263493	-0.448731	1
XLOC_011355	SLC25A41	chr19:6426047-6433790	1.2423	0.910932	-0.447603	0.684734
XLOC_009930	C17orf58	chr17:65987216-65989765	17.8426	13.084	-0.447524	0.267888
XLOC_005634	FGD6	chr12:95470524-95611240	0.0863894	0.0633564	-0.447364	1
XLOC_013480	FAM110A	chr20:814355-826922	10.3059	7.55904	-0.447196	0.40075
XLOC_008648	PDXDC2P	chr16:70010201-70099851	2.67018	1.95924	-0.446639	0.360418
XLOC_010472	ZNF554	chr19:2819871-2836733	1.33057	0.976312	-0.446632	0.50443
XLOC_007555	LOC645212	chr15:44826702-44829121	4.48964	3.29451	-0.446537	0.40838
XLOC_010726	ZNF431	chr19:21324839-21368805	2.08377	1.52908	-0.446529	0.357338
XLOC_002264	LGALS8-AS1	chr1:236681513-236767841	0.582953	0.427797	-0.446451	0.970185
XLOC_013618	MAP1LC3A	chr20:33134687-33148149	0.115828	0.0850024	-0.446404	1
XLOC_001341	WNT4	chr1:22443797-22469519	0.361807	0.265531	-0.44634	1
XLOC_000434	ROR1	chr1:64239689-64647179	0.0653476	0.0479701	-0.445999	1
XLOC_007656	CALML4	chr15:68483042-68498448	2.03241	1.49211	-0.445843	0.356798
XLOC_017875	PRELID2	chr5:145138581-145214899	6.5212	4.78849	-0.445569	0.325989
XLOC_012564	NAB1	chr2:191513847-191557492	4.82344	3.54216	-0.445433	0.247052

XLOC_013716	LOC284751	chr20:48909256-48931456	0.363563	0.267078	-0.444942	1
XLOC_016407	THAP9	chr4:83814604-83841284	0.925827	0.680288	-0.444597	0.831834
XLOC_002752	C10orf137	chr10:127408083-127452712	1.76627	1.29788	-0.444546	0.407744
XLOC_020837	ZNF398	chr7:148823507-148880118	3.09996	2.27799	-0.444489	0.296434
XLOC_015309	CHST13	chr3:126243130-126262134	0.648937	0.476886	-0.444434	0.832563
XLOC_023061	ZBTB6	chr9:125670334-125675607	3.02598	2.22432	-0.444036	0.321184
XLOC_002737	DMBT1	chr10:124320180-124403252	0.0652431	0.0479596	-0.444007	1
XLOC_012659	ANKZF1	chr2:220094478-220101391	40.053	29.449	-0.44369	0.217777
XLOC_018698	ZNF184	chr6:27418520-27440897	1.98554	1.46002	-0.44354	0.446894
XLOC_011811	DBP	chr19:49133816-49140639	14.815	10.8965	-0.443195	0.382784
XLOC_005870	DGKH	chr13:42614171-42803891	0.320003	0.235419	-0.442854	1
XLOC_009850	TOB1	chr17:48939586-48945732	11.1694	8.21958	-0.442419	0.283682
XLOC_005970	CLYBL	chr13:100258918-100549388	0.625051	0.459975	-0.442419	0.569689
XLOC_014318	CBR3-AS1	chr21:37504064-37528606	0.768091	0.565303	-0.442253	0.938489
XLOC_014500	MTMR3	chr22:30279157-30426857	4.41763	3.25149	-0.44217	0.227684
XLOC_000382	LINC00853	chr1:47644921-47646011	1.75918	1.29512	-0.441813	0.765218
XLOC_007231	FAM63B	chr15:59063392-59149734	0.429035	0.315904	-0.44161	0.61138
XLOC_000753	EFNA1	chr1:155100348-155107386	20.0247	14.7488	-0.441182	0.249473
XLOC_008376	HCFC1R1	chr16:3072625-3077756	358.34	263.995	-0.440816	0.50443
XLOC_007150	GCHFR	chr15:41056284-41059911	71.7001	52.8271	-0.440695	0.268716
XLOC_021686	CPQ	chr8:97657498-98155722	7.92871	5.84182	-0.440668	0.324946
XLOC_000505	BTBD8	chr1:92545861-92613401	0.0789642	0.0581805	-0.440663	1
XLOC_014297	TCP10L	chr21:33947150-33957845	0.660334	0.486551	-0.440605	0.689784
XLOC_014492	EMID1	chr22:29601900-29655586	8.56315	6.31088	-0.440301	0.371307
XLOC_007990	SMG1P1	chr16:22430866-22503541	0.0650761	0.0479615	-0.440251	1
XLOC_002605	PLCE1	chr10:95753745-96088148	0.0563741	0.0415487	-0.440229	1
XLOC_021388	ZNF767	chr7:149244244-149321881	2.18521	1.6111	-0.439726	0.500957
XLOC_022835	ZBTB5	chr9:37438099-37465407	2.61304	1.92678	-0.439539	0.334498
XLOC_006396	AKAP5	chr14:64932216-64941221	0.128395	0.0946776	-0.439497	1
XLOC_010609	ZNF136	chr19:12273871-12300064	1.17835	0.869073	-0.439221	0.523539
XLOC_013324	MDH1B	chr2:207602488-207630050	0.283665	0.209217	-0.439188	1
XLOC_021996	TMEM68	chr8:56651319-56738005	9.06188	6.68425	-0.439045	0.599023
XLOC_009836	FAM117A	chr17:47787686-47841518	11.2617	8.3075	-0.438941	0.293297
XLOC_017079	ANKRD33B	chr5:10564434-10657928	1.67004	1.23199	-0.438895	0.348299
XLOC_006050	PAN3-AS1	chr13:28710979-28869475	0.777623	0.573687	-0.438806	0.935245
XLOC_006683	TEP1	chr14:20833825-20881579	1.13822	0.839799	-0.438657	0.355674
XLOC_007731	STARD5	chr15:81489218-81616524	1.50296	1.10895	-0.438617	0.691843
XLOC_016986	MARCH1	chr4:164445449-165304407	0.163005	0.120287	-0.43843	1
XLOC_001366	RHCE	chr1:25664788-25747363	0.438442	0.323578	-0.438272	0.961459
XLOC_006355	PTGER2	chr14:52781015-52795322	0.0238678	0.017615	-0.438263	1
XLOC_012165	EPAS1	chr2:46524540-46613842	2.5607	1.8899	-0.43823	0.374985
XLOC_020357	OCM	chr7:5920428-5925994	0.178205	0.131529	-0.438159	1
XLOC_013233	MLK7-AS1	chr2:173940564-174146764	0.0430123	0.0317509	-0.437952	1
XLOC_018726	GABBR1	chr6:29570004-29600962	4.08039	3.01275	-0.437624	0.358432
XLOC_009668	GSDMB	chr17:38060847-38074903	1.74507	1.28856	-0.437523	0.594489
XLOC_019078	MED23	chr6:131894343-131949379	2.08295	1.53828	-0.437306	0.371609
XLOC_020333	CYP2W1	chr7:1022834-1029276	0.0490678	0.0362385	-0.437253	1
XLOC_006835	GPR135	chr14:59930239-59932059	0.306417	0.226315	-0.437162	1
XLOC_008521	ZNF764	chr16:30565084-30569642	3.45348	2.55078	-0.437114	0.464856

XLOC_002826	ACBD7	chr10:15117473-15130775	1.61536	1.19339	-0.436785	0.470928
XLOC_015983	GK5	chr3:141876368-141944449	0.719762	0.531762	-0.43674	0.413974
XLOC_008536	PRSS36	chr16:31150246-31161415	0.539572	0.398688	-0.436555	0.74538
XLOC_011711	CEACAM8	chr19:42901299-43156507	0.00712138	0.00526208	-0.436524	1
XLOC_008292	CDH15	chr16:89238162-89261900	0.783465	0.578925	-0.436493	0.710632
XLOC_008938	SPAG5-AS1	chr17:26926150-26972177	0.399758	0.295398	-0.43647	0.967458
XLOC_017793	FNIP1	chr5:130977406-131132756	6.15072	4.54506	-0.436454	0.239441
XLOC_001866	RAB13	chr1:153954092-153958853	104.553	77.2685	-0.436279	0.197138
XLOC_000932	RNF2	chr1:185014550-185071740	9.71312	7.18441	-0.435065	0.235968
XLOC_009806	SP6	chr17:45922279-45933240	2.4468	1.80989	-0.434994	0.453921
XLOC_002250	TARBP1	chr1:234527058-234614849	4.61374	3.4129	-0.434939	0.278484
XLOC_003544	PPP1R32	chr11:61248584-61258400	0.834314	0.617177	-0.434907	0.747289
XLOC_021097	NSUN5P2	chr7:72349935-72425302	6.88548	5.09356	-0.434881	0.867291
XLOC_001477	HPCAL4	chr1:40144644-40157089	1.01299	0.749414	-0.434789	0.535571
XLOC_013059	ACTR1B	chr2:98272401-98280561	86.8477	64.257	-0.434633	0.237487
XLOC_012595	BMPR2	chr2:203241049-203432474	0.788881	0.583739	-0.434485	0.384173
XLOC_006008	LOC100506394	chr13:114567149-114569805	0.133241	0.0985948	-0.43446	1
XLOC_022717	RLN1	chr9:5334931-5339873	0.0194514	0.0143998	-0.433822	1
XLOC_012928	PUS10	chr2:61167547-61279125	0.471814	0.349417	-0.433267	0.872122
XLOC_001318	AKR7L	chr1:19592475-19600568	2.09987	1.55523	-0.433171	0.513296
XLOC_014160	CBR3	chr21:37504064-37528606	17.436	12.9145	-0.433076	0.360333
XLOC_009540	FAM106A	chr17:18427879-18430160	0.00722556	0.00535245	-0.432911	1
XLOC_002349	LOC283070	chr10:12875132-12877545	8.32626	6.16816	-0.432829	0.314731
XLOC_013972	EMILIN3	chr20:39969559-39995498	3.20335	2.37339	-0.43263	0.626692
XLOC_010719	ZNF253	chr19:19976713-20004293	1.43123	1.06046	-0.432558	0.539297
XLOC_015058	ZKSCAN7	chr3:44596712-44624973	0.634715	0.470427	-0.432136	0.659523
XLOC_014229	DIP2A-IT1	chr21:47878861-47989926	0.0504156	0.0373687	-0.432037	1
XLOC_022386	TJP2	chr9:71736179-71870124	4.78869	3.55017	-0.431743	0.303067
XLOC_008048	SLX1B,SULT1A4	chr16:30204255-30218248	0.679569	0.503829	-0.431688	0.831614
XLOC_015971	CEP70	chr3:138213186-138313129	3.03173	2.24813	-0.431411	0.39733
XLOC_019044	LAMA4	chr6:112429133-112575917	0.0019616	0.00145473	-0.431282	1
XLOC_007106	WHAMMP2	chr15:28982728-29003508	0.0366688	0.0271954	-0.431188	1
XLOC_003712	RNF169	chr11:74459912-74660232	1.33687	0.991738	-0.430823	0.791387
XLOC_007644	MEGF11	chr15:66187633-66546075	0.0214771	0.0159328	-0.430802	1
XLOC_012762	FAM110C	chr2:38813-46588	1.15671	0.858215	-0.430614	0.525673
XLOC_014427	CRKL	chr22:21271713-21308037	12.6598	9.39536	-0.43023	0.232203
XLOC_014120	LINC00161	chr21:29911639-29912677	0.0356872	0.0264986	-0.429489	1
XLOC_002523	VCL	chr10:75757871-75879914	12.6265	9.37604	-0.429402	0.229368
XLOC_022640	ADAMTS13	chr9:136243283-136324508	3.91367	2.90644	-0.429269	0.915089
XLOC_008442	NOMO2	chr16:18511181-18573434	0.874855	0.649824	-0.428996	0.581803
XLOC_010126	TUBB6	chr18:12308256-12326568	4.58291	3.40422	-0.428938	0.501678
XLOC_022051	PEX2	chr8:77892493-77913280	7.64449	5.67908	-0.428763	0.267401
XLOC_001184	LINC00115	chr1:761585-762902	1.64003	1.21838	-0.42876	0.693923
XLOC_021495	FGF17	chr8:21900427-21906319	2.93101	2.17755	-0.428693	0.677271
XLOC_000519	SLC44A3	chr1:95285897-95360803	0.71808	0.533535	-0.42856	0.663419
XLOC_004676	GAPDH	chr12:6643584-6647537	8392.36	6235.84	-0.428493	0.532767
XLOC_014651	SHANK3	chr22:51113069-51171640	6.45462	4.79609	-0.428474	0.297228
XLOC_009942	LINC00511	chr17:70594179-70636611	0.0291474	0.0216616	-0.428225	1
XLOC_008752	SERPINF1	chr17:1665258-1680859	0.28916	0.214903	-0.428182	1

XLOC_010819	ZNF568	chr19:37407230-37488834	0.0850076	0.0632038	-0.42758	1
XLOC_011077	FPR3	chr19:52298410-52329334	0.0181593	0.0135052	-0.427186	1
XLOC_010636	LOC100507373	chr19:14247963-14316997	0.50462	0.375369	-0.426888	0.944779
XLOC_013188	NR4A2	chr2:157180943-157189287	0.446765	0.332434	-0.426446	0.699261
XLOC_015444	SKIL	chr3:170075472-170114637	1.28484	0.956207	-0.426195	0.386855
XLOC_022901	KIF27	chr9:86451614-86536380	0.373571	0.278042	-0.426081	0.642898
XLOC_005637	CCDC38	chr12:96260825-96336428	0.00752019	0.00559734	-0.426028	1
XLOC_012090	MAPRE3	chr2:27193524-27250087	0.947907	0.705564	-0.425967	0.707003
XLOC_022196	TRAPP9	chr8:140742585-141468678	8.66673	6.45146	-0.425863	0.283754
XLOC_022798	FAM219A	chr9:34398181-34458568	8.66026	6.44834	-0.425483	0.296311
XLOC_012566	MYO1B	chr2:192110106-192290115	10.3841	7.73193	-0.42547	0.237712
XLOC_016404	C4orf22	chr4:81256873-81884910	2.40211	1.78863	-0.425452	0.664469
XLOC_011782	DACT3	chr19:47150868-47220384	2.74448	2.0439	-0.425208	0.872122
XLOC_017238	ARSK	chr5:94890824-94940806	1.02409	0.762706	-0.42515	0.572663
XLOC_019074	ARHGAP18	chr6:129898239-130031370	1.39138	1.03646	-0.424855	0.504902
XLOC_014151	LINC00649	chr21:35303515-35343487	0.00613425	0.00456997	-0.424702	1
XLOC_016658	CCDC96	chr4:6911170-7059677	0.680773	0.507188	-0.424653	0.96256
XLOC_017240	RFESD	chr5:94982480-94992849	1.71079	1.27465	-0.424561	0.59526
XLOC_013519	C20orf196	chr20:5731042-5844559	1.9361	1.4428	-0.42428	0.662782
XLOC_011630	ZNF585A	chr19:37641000-37663615	0.894655	0.666732	-0.424225	0.537327
XLOC_022927	NFIL3	chr9:94171326-94186144	27.3259	20.3645	-0.424214	0.239387
XLOC_013057	LOC100506123	chr2:98081675-98091049	2.10706	1.57029	-0.4242	0.473572
XLOC_011041	PTOV1	chr19:50341902-50363999	62.7901	46.7956	-0.424166	0.267888
XLOC_016938	MAML3	chr4:140586921-141075233	0.885301	0.659819	-0.424097	0.850797
XLOC_015894	FSTL1	chr3:120113060-120169918	0.0199395	0.0148617	-0.424027	1
XLOC_018125	ZNF391	chr6:27356523-27369227	0.614839	0.458291	-0.423944	0.73703
XLOC_001512	ZSWIM5	chr1:45482075-45672250	0.219941	0.163975	-0.423635	1
XLOC_020889	WDR60	chr7:158649268-158738883	2.41904	1.80363	-0.423532	0.421289
XLOC_001784	NBPF14	chr1:148003641-148025848	2.78267	2.07487	-0.423451	0.380311
XLOC_013904	ZNF337	chr20:25654850-25677469	4.05296	3.02207	-0.423439	0.346485
XLOC_017638	HMGCS1	chr5:43287571-43313614	2.62961	1.96079	-0.423412	0.328608
XLOC_009939	ABCA10,ABCA5	chr17:67144147-67323323	0.486022	0.362437	-0.423292	0.525673
XLOC_011690	B9D2	chr19:41860321-41889987	7.9762	5.94883	-0.423096	0.628025
XLOC_005375	AMN1	chr12:31824070-31882108	1.11529	0.83188	-0.422977	0.641817
XLOC_021236	RASA4	chr7:102220092-102257205	5.18008	3.86437	-0.422741	0.306541
XLOC_009988	PRPSAP1	chr17:74306867-74350230	24.9832	18.6385	-0.422671	0.246893
XLOC_021670	LRRRC69	chr8:92114846-92231464	0.136766	0.10204	-0.42258	1
XLOC_008591	CCDC102A	chr16:57546089-57570477	5.44435	4.06206	-0.422548	0.479652
XLOC_022126	RRM2B	chr8:103216728-103251346	9.23744	6.89383	-0.422189	0.245231
XLOC_014458	SLC2A11	chr22:24199058-24227725	2.94454	2.1975	-0.422177	0.52085
XLOC_008077	TGFB11	chr16:31483475-31489281	57.6022	42.9905	-0.422106	0.241211
XLOC_009665	PGAP3	chr17:37827374-37844310	1.6944	1.26472	-0.421954	0.61138
XLOC_021554	DDHD2	chr8:38089008-38120287	3.74105	2.79256	-0.421854	0.326259
XLOC_021409	MLL3	chr7:151832009-152133090	1.40129	1.04624	-0.421535	0.28861
XLOC_000320	PPCS	chr1:42922172-42926086	41.6997	31.1459	-0.420992	0.255063
XLOC_000187	SRRM1	chr1:24969593-24999772	19.013	14.2033	-0.420753	0.251718
XLOC_011448	ZNF799	chr19:12500827-12512088	1.74865	1.30665	-0.420363	0.544748
XLOC_022100	TP53INP1	chr8:95938199-95961615	2.07099	1.54762	-0.420271	0.371307
XLOC_006336	C14orf28	chr14:45366506-45376460	1.1767	0.879517	-0.419964	0.57751

XLOC_012694	C2orf72	chr2:231902280-231914427	6.65675	4.97654	-0.419675	0.343169
XLOC_022763	CDKN2A	chr9:21967137-21994490	2.61896	1.95806	-0.419571	0.708756
XLOC_015899	GOLGB1	chr3:121382045-121468614	2.71119	2.02714	-0.41948	0.314558
XLOC_022492	SLC44A1	chr9:108006928-108153682	11.1474	8.33533	-0.419401	0.256851
XLOC_005937	LMO7	chr13:76194569-76434006	2.56144	1.91528	-0.4194	0.318772
XLOC_002965	RUFY2	chr10:70103274-70167051	1.96452	1.46906	-0.419288	0.416068
XLOC_001949	CCDC19	chr1:159842153-159869906	0.129046	0.0965413	-0.418663	1
XLOC_018000	TBC1D9B	chr5:179289070-179334856	29.8272	22.3239	-0.418043	0.230069
XLOC_004507	KBTBD3	chr11:105921824-105969419	0.630711	0.472115	-0.41784	0.913256
XLOC_021248	LOC100216546	chr7:104622193-104631612	0.211795	0.158553	-0.417702	1
XLOC_022467	TMOD1	chr9:100263461-100436029	1.05853	0.792451	-0.41767	0.95937
XLOC_005078	BTBD11	chr12:107712196-108053419	0.415209	0.310884	-0.41746	0.691509
XLOC_002167	IRF6	chr1:209958967-209979520	0.00357328	0.00267588	-0.417235	1
XLOC_011451	ZNF564	chr19:12636183-12662356	1.91948	1.4375	-0.417152	0.499226
XLOC_020533	LOC541473	chr7:72440191-72443668	0.634715	0.475439	-0.416849	0.840956
XLOC_011153	PRKCG	chr19:54385466-54410901	5.26296	3.94276	-0.41667	0.424799
XLOC_010927	BCAM	chr19:45312315-45324678	36.2677	27.1731	-0.416503	0.270565
XLOC_015242	LINC00636	chr3:107602051-107647753	0.017004	0.012742	-0.416291	1
XLOC_000332	TIE1	chr1:43766565-43788781	0.0688313	0.0515823	-0.416187	1
XLOC_022900	GKAP1	chr9:86354335-86432752	2.17316	1.62868	-0.416094	0.571238
XLOC_005972	ZIC2	chr13:100634025-100639019	5.29426	3.96804	-0.416002	0.456287
XLOC_000758	HCN3	chr1:155247217-155271225	0.652903	0.489352	-0.415997	0.759124
XLOC_021145	KIAA1324L	chr7:86506222-86689014	0.289326	0.216896	-0.41569	1
XLOC_013412	HTR2B	chr2:231921577-232037540	0.0573631	0.0430045	-0.415635	1
XLOC_001879	SHC1	chr1:154934773-154946959	162.78	122.051	-0.415444	0.251081
XLOC_007909	FLJ39639	chr16:3313767-3317566	0.23082	0.173084	-0.415295	1
XLOC_009104	RUNDC3A	chr17:42385926-42396038	0.823686	0.61767	-0.41526	0.740207
XLOC_014754	NIPSNAP1	chr22:29950797-29977326	77.0939	57.83	-0.414798	0.258646
XLOC_016468	ENPEP	chr4:111397228-111484493	0.0275947	0.0207004	-0.414729	1
XLOC_018639	TFAP2A	chr6:10396915-10419797	3.28417	2.46412	-0.414455	0.485845
XLOC_006806	PYGL	chr14:51371934-51411248	59.5173	44.6607	-0.414303	0.246092
XLOC_002688	MXI1	chr10:111967362-112047123	13.0418	9.78635	-0.414299	0.279083
XLOC_012963	TIA1	chr2:70436575-70475779	7.42796	5.57727	-0.413408	0.289046
XLOC_012626	SPAG16	chr2:214149102-215275225	7.27173	5.46082	-0.41318	0.45082
XLOC_023610	RAB33A	chrX:129305772-129318844	0.190795	0.143284	-0.413145	1
XLOC_014522	LOC339666	chr22:32772650-32780329	0.123676	0.0928807	-0.413111	1
XLOC_010729	LOC400680	chr19:21666516-21686040	0.52213	0.392145	-0.413023	0.655536
XLOC_010517	VMAC	chr19:5904851-5910263	1.3594	1.02103	-0.412947	0.715356
XLOC_006981	ANKRD9	chr14:102973197-102976128	17.5132	13.1552	-0.412816	0.480199
XLOC_013256	PRKRA	chr2:179059207-179672150	21.4349	16.1015	-0.412763	0.521695
XLOC_002622	PGAM1	chr10:99186026-99193198	479.619	360.284	-0.412754	0.283957
XLOC_011923	ZNF816,ZNF816-2	chr19:53430387-53466164	3.21933	2.41844	-0.412682	0.458482
XLOC_020762	EXOC4	chr7:132937822-133750513	17.747	13.3326	-0.412621	0.239825
XLOC_011996	ZNF552	chr19:58318449-58326281	1.98439	1.49081	-0.4126	0.522543
XLOC_020510	ZNF107	chr7:64126510-64171401	0.732037	0.550012	-0.412453	0.547882
XLOC_003325	ZNF143	chr11:9482511-9550071	4.03517	3.03198	-0.412367	0.38271
XLOC_014546	LGALS1	chr22:38071612-38075809	2086.2	1567.8	-0.41213	0.276165
XLOC_018077	SOX4	chr6:21593971-21598849	8.36926	6.28962	-0.412128	0.297593
XLOC_021296	GRM8	chr7:126078651-126892428	0.00417936	0.00314096	-0.412078	1

XLOC_018882	CUL7	chr6:43005354-43021683	5.98738	4.50101	-0.411675	0.304538
XLOC_005247	ING4	chr12:6759703-6772308	6.45944	4.85606	-0.411622	0.482583
XLOC_013376	GLB1L	chr2:220101502-220110131	0.832289	0.625707	-0.411597	0.67336
XLOC_022293	RRAGA	chr9:19049371-19051021	66.649	50.1067	-0.411582	0.255653
XLOC_023769	TMEM27	chrX:15645440-15683154	0.448735	0.337406	-0.411377	0.78593
XLOC_010552	ANGPTL4	chr19:8429010-8439257	114.478	86.0816	-0.411293	0.230647
XLOC_013432	ARL4C	chr2:235401685-235405693	0.133603	0.100464	-0.411278	1
XLOC_016597	SLC25A4	chr4:186064416-186071538	16.0143	12.0435	-0.411105	0.267401
XLOC_012178	PPP1R21	chr2:48667907-48742531	3.78753	2.84984	-0.410376	0.384698
XLOC_010202	SMAD4	chr18:48556582-48611411	4.2926	3.23009	-0.410278	0.274812
XLOC_012107	ZNF512	chr2:27805835-27846082	4.1202	3.1005	-0.410211	0.363127
XLOC_011910	ZNF350	chr19:52467592-52490079	2.86091	2.1529	-0.410191	0.46587
XLOC_004012	HBE1	chr11:5289579-5291373	130.114	97.9346	-0.40988	0.261731
XLOC_003898	SLC37A2	chr11:124933012-124960412	0.324408	0.244185	-0.409837	1
XLOC_005229	PARP11	chr12:3918026-3982608	1.14862	0.8648	-0.409463	0.525673
XLOC_013962	TGM2	chr20:36756863-36793700	151.297	113.922	-0.409334	0.273369
XLOC_006701	RAB2B	chr14:21927178-21945132	3.84313	2.8938	-0.409316	0.413477
XLOC_008738	C16orf3	chr16:90089007-90114191	0.128376	0.0966758	-0.409149	1
XLOC_017621	RICTOR	chr5:38938021-39074501	1.58055	1.1903	-0.409096	0.361509
XLOC_008461	NPIPL3	chr16:21413454-21436658	3.81224	2.87134	-0.408914	0.461694
XLOC_005827	RASL11A	chr13:27844463-27847827	3.11824	2.34897	-0.408705	0.653588
XLOC_000982	PPFIA4	chr1:203020310-203047864	0.106882	0.0805366	-0.408308	1
XLOC_013990	SDC4	chr20:43953928-43977064	58.9641	44.4361	-0.408105	0.263786
XLOC_024032	SLC25A5-AS1	chrX:118599995-118605359	0.340679	0.256782	-0.407871	1
XLOC_012685	DAW1	chr2:228736326-228789026	0.0279049	0.0210329	-0.407868	1
XLOC_021083	ZNF680	chr7:63980254-64023505	1.5552	1.1723	-0.407758	0.524638
XLOC_018731	HCG4B	chr6:29892368-29893428	0.434923	0.327851	-0.407719	0.853998
XLOC_014166	TTC3	chr21:38445570-38575408	2.81199	2.12023	-0.40737	0.314509
XLOC_004954	METTTL21B	chr12:58166382-58176324	3.39109	2.55689	-0.407359	0.472269
XLOC_022611	ASS1	chr9:133320093-133376661	135.933	102.504	-0.407214	0.256339
XLOC_016443	MTPP	chr4:100485239-100545154	0.0258147	0.019471	-0.406865	1
XLOC_007557	PATL2	chr15:44957929-44969086	0.238545	0.179952	-0.406649	1
XLOC_022850	KGFLP2	chr9:41958801-42019584	0.164238	0.123909	-0.406504	1
XLOC_018888	LRRRC73	chr6:43474702-43478081	2.9892	2.25555	-0.406282	0.648569
XLOC_021889	MTMR7	chr8:17104400-17271040	1.08037	0.81521	-0.406279	0.763754
XLOC_010973	EHD2	chr19:48216600-48246391	7.99474	6.03273	-0.40624	0.38144
XLOC_016082	MCF2L2	chr3:182895830-183145855	0.139602	0.105346	-0.406187	1
XLOC_016856	ADH6	chr4:100010007-100222513	0.0206293	0.0155682	-0.406094	1
XLOC_009165	ACSF2	chr17:48503518-48552200	6.69399	5.05222	-0.40595	0.400165
XLOC_004778	FGFR1OP2	chr12:27091304-27119581	8.38686	6.33011	-0.405901	0.549268
XLOC_022530	LOC253039	chr9:123605319-123616651	2.47796	1.87031	-0.405875	0.450304
XLOC_003564	GNG3	chr11:62457733-62494857	0.182398	0.137672	-0.405854	1
XLOC_009014	TBC1D3	chr17:36283959-36295098	0.201651	0.152221	-0.405687	1
XLOC_014882	LOC100506714	chr22:45529638-45559662	1.50003	1.13237	-0.405648	0.703707
XLOC_011752	ERCC2	chr19:45843997-45873845	25.3493	19.1369	-0.405589	0.53682
XLOC_012503	UBR3	chr2:170684017-170940639	1.91468	1.44552	-0.405522	0.361509
XLOC_023152	LOC100506599	chr9:138354564-138364095	0.757086	0.571578	-0.405507	0.664469
XLOC_005973	PCCA	chr13:100741268-101241046	1.44697	1.09306	-0.404672	0.739517
XLOC_012074	FAM228B	chr2:24346349-24392507	1.27377	0.962242	-0.404638	0.696791

XLOC_014730	POM121L10P	chr22:25028881-25055114	0.0172966	0.0130689	-0.404356	1
XLOC_008757	SGSM2	chr17:2240805-2284348	9.62473	7.27235	-0.404325	0.298867
XLOC_005415	KANSL2	chr12:49046994-49076035	11.732	8.86706	-0.403927	0.308679
XLOC_004096	SERGEF	chr11:17809596-18034637	20.4663	15.469	-0.403871	0.318402
XLOC_014855	TNFRSF13C	chr22:42321035-42322821	1.50866	1.14042	-0.403703	0.798083
XLOC_011735	ZNF404	chr19:44376514-44384288	2.32358	1.7567	-0.403476	0.569689
XLOC_011527	JAK3	chr19:17935592-17958841	1.36927	1.03536	-0.403273	0.554644
XLOC_016154	LOC220729	chr3:197340897-197354752	1.15031	0.869862	-0.403166	0.699003
XLOC_001479	OXCT2	chr1:40204516-40254533	1.44987	1.09647	-0.403063	0.93855
XLOC_000397	ZYG11B	chr1:53192130-53293013	1.78839	1.35291	-0.402596	0.379385
XLOC_018728	HLA-F-AS1	chr6:29691116-29716826	1.19112	0.901416	-0.402049	0.945399
XLOC_011507	CYP4F11	chr19:16023179-16045676	0.133655	0.101149	-0.40204	1
XLOC_002478	JMJD1C-AS1	chr10:64926987-65226322	0.538168	0.4074	-0.40161	0.977021
XLOC_003397	CAT	chr11:34460471-34493607	7.50977	5.68631	-0.401277	0.384554
XLOC_011625	ZNF529	chr19:37034516-37096178	1.75209	1.32667	-0.401267	0.482819
XLOC_011184	SUV420H2	chr19:55851220-55859489	8.27504	6.26679	-0.40104	0.453879
XLOC_001033	TRAF5	chr1:211499956-211548286	4.29928	3.2561	-0.400952	0.346329
XLOC_005294	KLRAP1	chr12:10741076-10752434	0.197037	0.149235	-0.400885	1
XLOC_001859	S100A13	chr1:153591275-153618782	524.11	396.969	-0.400845	0.505511
XLOC_014690	PI4KAP1	chr22:20383730-20398695	12.4077	9.39831	-0.400762	0.358175
XLOC_006951	SERPINA10	chr14:94749649-94759608	0.00715525	0.00542199	-0.400179	1
XLOC_003704	ARHGEF17	chr11:73019662-73080425	3.31609	2.51297	-0.400088	0.381513
XLOC_013687	WFDC13	chr20:44313289-44337456	0.0116356	0.00881938	-0.399793	1
XLOC_022357	FAM201A	chr9:38621084-38623277	4.09305	3.10284	-0.399587	0.602867
XLOC_015469	YEATS2	chr3:183415605-183530413	11.7648	8.91995	-0.399375	0.273449
XLOC_012217	APLF	chr2:68694690-68807294	0.309923	0.235036	-0.399031	1
XLOC_017431	GM2A	chr5:150632612-150649953	11.5022	8.7238	-0.398878	0.308793
XLOC_014205	PFKL	chr21:45719924-45747261	64.9081	49.2327	-0.398783	0.297472
XLOC_022714	AK3	chr9:4709556-4742043	8.30006	6.29563	-0.398771	0.307985
XLOC_011822	GYS1	chr19:49471381-49496610	57.6903	43.7584	-0.398768	0.30896
XLOC_006771	MBIP	chr14:36767763-36789882	5.25088	3.98341	-0.398554	0.459016
XLOC_021668	NECAB1	chr8:91803920-91997485	0.0473152	0.0358954	-0.398506	1
XLOC_007430	LRRRC28	chr15:99791651-99926498	5.10623	3.87419	-0.398365	0.544831
XLOC_008968	NF1	chr17:29421944-29704695	1.03054	0.781981	-0.39819	0.510602
XLOC_016315	RASL11B	chr4:53728494-53733002	0.00947861	0.00719368	-0.397945	1
XLOC_006804	SAV1	chr14:51100297-51135071	13.734	10.4247	-0.397736	0.303947
XLOC_014995	TGFBR2	chr3:30647993-30735633	1.023	0.776532	-0.397691	0.570328
XLOC_016502	C4orf29	chr4:128838959-128952455	0.851341	0.646427	-0.397251	0.862353
XLOC_002561	ADIRF,AGAP11	chr10:88728187-88769960	52.4221	39.8153	-0.396851	0.378821
XLOC_002606	TBC1D12	chr10:96162185-96296089	1.52862	1.16123	-0.396572	0.473572
XLOC_018940	DST	chr6:56137688-56615138	1.13779	0.864391	-0.396476	0.356496
XLOC_012553	GULP1	chr2:189156395-189460652	2.1847	1.65988	-0.396359	0.489743
XLOC_008232	ZFP1	chr16:75182420-75206132	2.15048	1.63394	-0.396308	0.485751
XLOC_008105	IRX5	chr16:54965110-54968395	0.470767	0.357751	-0.396057	0.831291
XLOC_016808	CCNI	chr4:77969176-77997125	63.615	48.349	-0.395882	0.284182
XLOC_012543	SSFA2	chr2:182756471-182795464	6.72823	5.11377	-0.39584	0.297533
XLOC_023187	LOC100289341	chr9:139979397-139981269	1.95835	1.4887	-0.395583	0.685186
XLOC_002383	KIAA1217	chr10:23983674-24836772	2.5061	1.90515	-0.395539	0.421289
XLOC_016127	GP5	chr3:194115549-194119995	0.00710067	0.00539846	-0.395407	1

XLOC_003773	AMOTL1	chr11:94501507-94609918	0.0673049	0.0511707	-0.395395	1
XLOC_001250	ENO1	chr1:8921058-8939943	2308.94	1755.56	-0.395299	0.387751
XLOC_003127	WDR96	chr10:105889645-105992120	0.064438	0.0489973	-0.39521	1
XLOC_017199	F2R	chr5:76011867-76031595	0.823492	0.626187	-0.395162	0.638482
XLOC_009221	TANC2	chr17:60778674-61505067	1.73041	1.31612	-0.394818	0.384397
XLOC_023948	ABCB7	chrX:74273006-74376175	15.0741	11.4676	-0.394512	0.299896
XLOC_000729	S100A1	chr1:153591275-153618782	0.556575	0.423419	-0.394491	0.967458
XLOC_008497	LOC440354	chr16:29538928-29577540	0.270932	0.206125	-0.394411	1
XLOC_017957	BOD1	chr5:173034147-173043666	36.7855	27.9872	-0.394371	0.28349
XLOC_007332	AGPHD1	chr15:78799905-78829715	2.78508	2.11939	-0.394069	0.70237
XLOC_013307	FAM126B	chr2:201838440-201936392	1.18851	0.904443	-0.394048	0.416867
XLOC_017773	CCDC112	chr5:114602884-114632458	2.51005	1.91052	-0.393755	0.506617
XLOC_014692	SCARF2	chr22:20778873-20792146	1.61401	1.22858	-0.393657	0.706316
XLOC_017051	PLEKHG4B	chr5:140372-190087	0.00465129	0.00354093	-0.393502	1
XLOC_008672	CLEC18B	chr16:74442528-74455368	0.203384	0.154852	-0.393317	1
XLOC_002172	NEK2	chr1:211831598-211848972	11.0528	8.41667	-0.393085	0.338996
XLOC_006234	GAS6	chr13:114518582-114567046	24.8262	18.9071	-0.392939	0.322408
XLOC_021653	LRRCC1	chr8:86019322-86058314	1.66035	1.2646	-0.392801	0.500861
XLOC_013062	MGAT4A	chr2:99235568-99347589	0.941212	0.717046	-0.392455	0.586001
XLOC_007269	FEM1B	chr15:68570140-68583640	1.52993	1.16555	-0.392455	0.637543
XLOC_007350	FAM154B	chr15:82555151-82577267	0.0892271	0.0679806	-0.392357	1
XLOC_023072	SCAI	chr9:127704887-127905838	1.16119	0.884792	-0.392191	0.39951
XLOC_024205	CMC4,MTCP1	chrX:154289899-154299547	15.3038	11.6613	-0.392163	0.518305
XLOC_009874	SEPT4	chr17:56597610-56618179	0.358695	0.273405	-0.391717	1
XLOC_014057	PPP1R3D	chr20:58508818-58523702	1.91869	1.46276	-0.39143	0.73942
XLOC_011523	TMEM221	chr19:17546317-17559376	0.212548	0.162043	-0.391409	1
XLOC_012053	PQLC3	chr2:11295539-11318998	9.24391	7.04807	-0.391274	0.416925
XLOC_007564	FBN1	chr15:48700502-48937985	0.0179174	0.0136626	-0.391131	1
XLOC_018386	LOC100288198	chr6:79910961-79946517	0.520507	0.396967	-0.3909	0.938516
XLOC_017931	PWWP2A	chr5:159502891-159546452	5.77769	4.40681	-0.390759	0.373268
XLOC_010100	DLGAP1-AS1	chr18:3496029-4455266	2.30713	1.75974	-0.390733	0.722646
XLOC_007570	FAM227B	chr15:49447975-49913118	0.558212	0.42584	-0.390503	0.954143
XLOC_016138	SDHAP1	chr3:195686791-195717150	1.0747	0.819869	-0.390475	0.692564
XLOC_012223	ANXA4	chr2:69969126-70053596	20.9488	15.9848	-0.390166	0.303477
XLOC_015853	LOC100302640	chr3:106828636-106959485	0.406293	0.310035	-0.39009	0.905739
XLOC_020495	GBAS	chr7:56032269-56067875	31.0272	23.6776	-0.390008	0.306541
XLOC_001794	SV2A	chr1:149874871-149889434	0.0448827	0.0342516	-0.389987	1
XLOC_008259	DNAAF1	chr16:84178864-84220676	0.0201436	0.015374	-0.389833	1
XLOC_011455	DHPS	chr19:12777617-12792701	48.2553	36.8471	-0.389136	0.765267
XLOC_020584	GNAI1	chr7:79764139-79848725	3.64293	2.78182	-0.38907	0.416685
XLOC_014628	TTC38	chr22:46663860-46689905	17.9533	13.7101	-0.389009	0.333549
XLOC_008297	CPNE7	chr16:89642175-89663654	44.8589	34.2766	-0.388167	0.298867
XLOC_011615	CLIP3	chr19:36505561-36523797	0.345126	0.263734	-0.38804	1
XLOC_011325	STAP2	chr19:4324039-4338847	18.2523	13.948	-0.388015	0.393192
XLOC_002641	LINC00263	chr10:102133332-102148111	14.102	10.7805	-0.387482	0.467566
XLOC_006903	TGFB3	chr14:76424441-76448092	1.87647	1.43458	-0.387394	0.572669
XLOC_009818	HOXB5	chr17:46667822-46683774	2.20293	1.68429	-0.387282	0.841384
XLOC_018817	MNF1	chr6:33664537-33679528	29.8588	22.8307	-0.387181	0.359287
XLOC_004069	SBF2	chr11:9776316-10315754	2.20892	1.68902	-0.387156	0.608336

XLOC_023907	ZC4H2	chrX:64135681-64254624	5.13523	3.92698	-0.387008	0.439637
XLOC_001120	EDARADD	chr1:236557679-236648008	0.602997	0.461156	-0.386898	0.709707
XLOC_017547	TPPP	chr5:659976-693510	1.39586	1.0677	-0.386647	0.554334
XLOC_010264	PAR6G-AS1	chr18:77905806-78005397	0.249524	0.190886	-0.386468	1
XLOC_003654	KDM2A	chr11:66886739-67025550	11.0074	8.42151	-0.386319	0.312715
XLOC_002679	LOC100505839	chr10:105353783-105615164	0.0162196	0.012412	-0.386007	1
XLOC_014422	MED15	chr22:20861885-20941919	20.9673	16.0455	-0.385969	0.307517
XLOC_004146	RAG2	chr11:36613492-36680817	0.0141579	0.0108363	-0.38574	1
XLOC_014450	GNAZ	chr22:23401592-23484241	4.08817	3.12952	-0.385511	0.49621
XLOC_017027	LOC731424	chr4:185764449-185768200	0.00471121	0.00360664	-0.385442	1
XLOC_010949	QPCTL	chr19:46195740-46207248	17.4451	13.3574	-0.385186	0.348636
XLOC_010474	ZNF556	chr19:2867332-2878501	1.5719	1.20361	-0.385147	0.673323
XLOC_024188	MECP2	chrX:153287263-153363188	28.2477	21.632	-0.38497	0.396533
XLOC_006974	BEGAIN	chr14:101003483-101036131	4.20771	3.22241	-0.384896	0.576635
XLOC_001890	CLK2	chr1:155232658-155243281	16.2986	12.482	-0.384891	0.362943
XLOC_004525	FDXACB1	chr11:111744779-111754797	1.63887	1.25547	-0.384465	0.818403
XLOC_018069	CAP2	chr6:17393735-17558023	4.69715	3.59876	-0.384283	0.426631
XLOC_013337	KANSL1L	chr2:210867351-211036051	3.25964	2.49773	-0.384095	0.538721
XLOC_013574	FRG1B	chr20:29611878-29634007	8.16965	6.26209	-0.38363	0.518305
XLOC_000197	PDIK1L	chr1:26437655-26452039	2.33929	1.79371	-0.383123	0.447714
XLOC_013843	SLC23A2	chr20:4833001-4990939	1.1254	0.862939	-0.383107	0.525398
XLOC_012043	IAH1	chr2:9614669-9628591	44.173	33.8725	-0.383051	0.362399
XLOC_005705	MAPKAPK5-AS1	chr12:112277572-112331228	9.75783	7.48267	-0.383007	0.704729
XLOC_004398	FAM168A	chr11:73117027-73309228	1.46697	1.125	-0.382916	0.70639
XLOC_007918	VASN	chr16:4390251-4466962	2.37009	1.81777	-0.382773	0.949188
XLOC_006927	FOXN3	chr14:89622515-90085494	2.69342	2.06592	-0.382656	0.419619
XLOC_015178	SLC25A26	chr3:66119284-66550845	19.9915	15.3349	-0.382573	0.459565
XLOC_010768	WTIP	chr19:34972879-34992085	1.49993	1.15061	-0.382502	0.743493
XLOC_009585	DHRS13	chr17:27224798-27230089	32.1738	24.6824	-0.382405	0.337645
XLOC_017694	FOXD1	chr5:72742084-72744352	90.8608	69.7258	-0.381966	0.304772
XLOC_012396	RABL2A	chr2:114384816-114400975	1.664	1.27694	-0.381966	0.658942
XLOC_016489	KIAA1109	chr4:123091757-123283914	0.861577	0.661273	-0.381734	0.41602
XLOC_008804	BCL6B	chr17:6926368-6932961	0.00534588	0.00410456	-0.381201	1
XLOC_017932	CCNJL	chr5:159678670-159739573	6.54346	5.02409	-0.381192	0.412911
XLOC_011520	ANO8	chr19:17420336-17445638	2.28272	1.75294	-0.380975	0.884031
XLOC_023501	ZNF711	chrX:84498996-84528368	1.24964	0.959823	-0.380675	0.554334
XLOC_009089	RND2	chr17:41177257-41184058	0.55152	0.423683	-0.380427	0.705194
XLOC_016280	FAM114A1	chr4:38869353-38947365	4.82549	3.70758	-0.380195	0.400165
XLOC_017903	ANXA6	chr5:150480266-150537443	49.311	37.8891	-0.380129	0.305306
XLOC_009468	LOC284023	chr17:7816639-7819265	6.59727	5.06919	-0.380115	0.442213
XLOC_004368	CHKA	chr11:67820325-67888858	23.3937	17.976	-0.38005	0.322682
XLOC_010205	POLI	chr18:51795848-51824604	2.77955	2.13609	-0.379883	0.395334
XLOC_015686	PLXNB1	chr3:48445260-48471460	4.70029	3.61246	-0.379769	0.382212
XLOC_011384	KANK3	chr19:8387467-8408146	4.40317	3.38446	-0.379618	0.598397
XLOC_019173	AGPAT4-IT1	chr6:161551056-161695107	0.0110009	0.0084575	-0.379321	1
XLOC_015468	KLHL24	chr3:183353410-183402304	2.55515	1.9645	-0.379245	0.392586
XLOC_001738	ATP1A1OS	chr1:116915794-116961244	3.70672	2.84994	-0.379213	0.94749
XLOC_004492	MMP1	chr11:102654406-102714342	0.182287	0.140158	-0.379164	1
XLOC_022177	ASAP1	chr8:131064350-131455906	13.3453	10.261	-0.37916	0.303947

XLOC_005485	ITGB7	chr12:53585106-53601000	0.0946	0.07275	-0.378893	1
XLOC_002807	ITIH5	chr10:7601231-7708961	0.00731325	0.00562498	-0.378664	1
XLOC_014996	STT3B	chr3:31574490-31677556	8.33456	6.41101	-0.378553	0.390067
XLOC_015509	LPP	chr3:187868993-188608460	1.89084	1.45447	-0.378534	0.358175
XLOC_015438	MYNN	chr3:169490852-169507504	2.38611	1.83548	-0.378501	0.43048
XLOC_008174	SLC9A5	chr16:67282854-67306094	4.86073	3.73932	-0.378399	0.448579
XLOC_003099	PDZD7	chr10:102756863-102790914	2.2681	1.74507	-0.3782	0.946416
XLOC_022323	DNAI1	chr9:34458810-34520982	0.0241463	0.018579	-0.378126	1
XLOC_006867	ZFP36L1	chr14:69254371-69262960	128.601	98.9802	-0.377688	0.336576
XLOC_014765	SDC4P	chr22:30877276-30877743	0.045365	0.0349211	-0.37748	1
XLOC_003077	AVPI1	chr10:99437180-99447015	16.9719	13.0647	-0.377469	0.427182
XLOC_011913	ZNF432	chr19:52536676-52552073	1.22722	0.944715	-0.377446	0.637294
XLOC_012642	SLC11A1	chr2:219246751-219261617	0.158942	0.122354	-0.377441	1
XLOC_000784	PEAR1	chr1:156863522-156886226	1.43273	1.1039	-0.376155	0.596588
XLOC_006960	CLMN	chr14:95648275-95786245	1.28513	0.990311	-0.375956	0.427611
XLOC_017603	AMACR,C1QTNF:	chr5:33987090-34124633	2.37812	1.83256	-0.375956	0.517848
XLOC_011684	NUMBL	chr19:41171811-41196556	11.4583	8.82984	-0.375938	0.376868
XLOC_023088	ST6GALNAC6	chr9:130647600-130661871	99.5991	76.7534	-0.375903	0.320187
XLOC_002231	CCSAP	chr1:229456751-229478688	1.73794	1.33932	-0.375885	0.499734
XLOC_016144	RNF168	chr3:196195656-196230639	5.76799	4.44558	-0.375697	0.367775
XLOC_010408	FBXO15	chr18:71740587-71815100	0.586779	0.452358	-0.375351	0.786862
XLOC_004665	KCNA6	chr12:4918341-4960278	0.00333829	0.00257391	-0.375147	1
XLOC_011893	VSIG10L	chr19:51834794-51845378	1.40574	1.08439	-0.374446	0.659523
XLOC_022596	ENDOG	chr9:131580778-131592100	36.7474	28.3499	-0.374301	0.861006
XLOC_006139	NEK5	chr13:52638899-52703214	0.255567	0.197173	-0.374245	1
XLOC_003394	KIAA1549L	chr11:33563876-33695646	1.22238	0.943128	-0.374162	0.436615
XLOC_004371	MTL5	chr11:68474907-68518988	1.80851	1.39551	-0.374009	0.628907
XLOC_009728	KRT17	chr17:39775691-39780882	0.155679	0.120163	-0.373584	1
XLOC_005085	USP30	chr12:109489845-109525831	2.38872	1.84377	-0.373575	0.52352
XLOC_020977	HOXA4	chr7:27168125-27170399	4.43624	3.42433	-0.373515	0.60307
XLOC_002819	PHYH	chr10:13319795-13342130	37.1136	28.6588	-0.37297	0.343451
XLOC_013757	SS18L1	chr20:60718821-60757566	2.97658	2.29851	-0.372956	0.472938
XLOC_004823	CCDC65	chr12:49297892-49315359	0.0164053	0.0126697	-0.372786	1
XLOC_004728	PRH2	chr12:10998447-11328619	0.0145432	0.0112315	-0.372785	1
XLOC_011682	SERTAD3	chr19:40946747-40950282	15.5936	12.0447	-0.372555	0.444812
XLOC_015391	HPS3	chr3:148847370-148939832	3.22798	2.49339	-0.372522	0.569924
XLOC_008335	CCDC154	chr16:1484388-1494490	0.333686	0.257754	-0.372497	1
XLOC_001634	COL24A1	chr1:86194915-86622121	0.00877864	0.00678191	-0.372305	1
XLOC_019038	CDK19	chr6:110931180-111136412	1.72139	1.32993	-0.372222	0.487833
XLOC_004548	LOC100652768	chr11:117049938-117075508	1.32176	1.02125	-0.372119	0.964442
XLOC_004740	RPL13AP20	chr12:13028410-13029070	2.37748	1.83706	-0.372033	0.796502
XLOC_012198	AHSA2	chr2:61404554-61697849	4.86339	3.75806	-0.371975	0.781103
XLOC_020955	CDCA7L	chr7:21582832-21985542	38.1091	29.4485	-0.371943	0.334695
XLOC_023509	DIAPH2	chrX:95939661-96855597	5.24656	4.05476	-0.371755	0.409203
XLOC_002657	LOC100289509	chr10:103578824-103603677	0.482705	0.373074	-0.37168	0.915223
XLOC_017439	CNOT8	chr5:154238197-154256352	29.3819	22.7091	-0.371656	0.341011
XLOC_005144	ACADS	chr12:121163570-121177811	51.3018	39.6615	-0.37127	0.344831
XLOC_010862	ZNF546	chr19:40502942-40523514	0.26402	0.20413	-0.371155	1
XLOC_003926	JAM3	chr11:133938819-134021652	0.32277	0.249572	-0.371047	1

XLOC_017081	TRIO	chr5:14143828-14509458	2.46963	1.90961	-0.371018	0.402378
XLOC_005961	MBNL2	chr13:97874549-98046374	3.3999	2.62921	-0.370864	0.438793
XLOC_011231	ZNF211	chr19:58144534-58154147	1.43622	1.11073	-0.370767	0.626866
XLOC_020418	CHN2	chr7:29234120-29553944	0.436763	0.337798	-0.37069	0.765218
XLOC_015602	SATB1	chr3:18389132-18480265	3.62054	2.8002	-0.370676	0.441009
XLOC_022570	ZNF79	chr9:130186652-130207651	4.00261	3.09577	-0.370643	0.571768
XLOC_010254	ZNF236	chr18:74536115-74682682	0.760457	0.588206	-0.370545	0.582102
XLOC_011867	NAPSA	chr19:50861733-50868931	0.0466581	0.0360931	-0.370405	1
XLOC_001136	ZBTB18	chr1:244214560-244220778	2.26659	1.75359	-0.370209	0.524475
XLOC_018168	HLA-L	chr6:30201815-30314635	0.0134031	0.0103708	-0.370044	1
XLOC_007670	PKM	chr15:72491369-72523727	1322.34	1023.29	-0.36987	0.432815
XLOC_014963	SLC6A6	chr3:14444105-14583588	4.03241	3.12104	-0.369617	0.570304
XLOC_011778	PPP5D1	chr19:46984044-47104457	0.142217	0.11008	-0.36954	1
XLOC_022683	UAP1L1	chr9:139971952-139978990	35.8553	27.7557	-0.369404	0.342315
XLOC_008170	NOL3	chr16:67204399-67217883	19.9282	15.4277	-0.369282	0.623292
XLOC_006898	MLH3	chr14:75480466-75518235	1.19135	0.922537	-0.368915	0.501868
XLOC_012092	AGBL5	chr2:27274490-27294567	12.6081	9.76781	-0.368248	0.847078
XLOC_018218	CYP21A2	chr6:31973358-31981050	0.0853122	0.0661156	-0.367763	1
XLOC_011824	LOC101059948	chr19:49521504-49522741	0.430854	0.333922	-0.367688	0.925922
XLOC_003585	VEGFB	chr11:64002055-64006736	73.4179	56.9074	-0.367515	0.340084
XLOC_020956	RAPGEF5	chr7:22157907-22396533	0.916003	0.710072	-0.367386	0.562114
XLOC_003053	MYOF	chr10:95066185-95242074	16.0366	12.433	-0.367194	0.325447
XLOC_011703	DEDD2	chr19:42702744-42724304	39.0525	30.2782	-0.367136	0.371136
XLOC_015127	GRM2	chr3:51741080-51752625	0.102227	0.0792627	-0.367058	1
XLOC_004736	CDKN1B	chr12:12870301-12875305	9.08962	7.04785	-0.367037	0.426282
XLOC_008714	C16orf95	chr16:87336403-87351026	4.80894	3.72924	-0.366837	0.692701
XLOC_016874	BDH2	chr4:103998781-104021024	6.3678	4.93896	-0.366588	0.425029
XLOC_010014	CBX8	chr17:77768175-77770915	14.9685	11.61	-0.366562	0.458976
XLOC_020570	ZP3	chr7:76018645-76071388	12.8181	9.94299	-0.36643	0.482717
XLOC_022295	ACER2	chr9:19408924-19452500	0.0907464	0.0704046	-0.366171	1
XLOC_009928	HELZ	chr17:65066553-65241319	2.0198	1.56728	-0.365953	0.371609
XLOC_023811	SRPX	chrX:38008587-38080177	12.3213	9.56206	-0.365757	0.44926
XLOC_023080	FAM129B	chr9:130267617-130341268	121.598	94.3679	-0.365749	0.362167
XLOC_017849	ECSCR	chr5:138784244-138842320	0.0256969	0.0199485	-0.365313	1
XLOC_002260	LYST	chr1:235824344-236030220	0.283609	0.220179	-0.365231	1
XLOC_008172	ELMO3	chr16:67233027-67237927	2.34402	1.81986	-0.365158	0.65671
XLOC_015696	NCKIPSD	chr3:48711277-48723334	21.9625	17.0528	-0.365035	0.38271
XLOC_012205	UGP2	chr2:64068097-64118696	15.0837	11.7121	-0.364985	0.378445
XLOC_014712	ZDHC8P1	chr22:23732791-23744799	0.701965	0.545146	-0.364757	0.79183
XLOC_019058	CEP85L	chr6:118781934-119031238	0.531497	0.412772	-0.364716	0.765759
XLOC_011749	TRAPPC6A	chr19:45666185-45681501	31.4109	24.4015	-0.364297	0.502136
XLOC_006886	ELMSAN1	chr14:74181824-74253896	3.15484	2.45139	-0.363963	0.435859
XLOC_003637	PACS1	chr11:65837823-66012218	19.7431	15.3423	-0.363833	0.350415
XLOC_008385	ZNF597	chr16:3486109-3493490	1.14585	0.890618	-0.363543	0.727839
XLOC_002370	CACNB2	chr10:18429605-18830688	0.0917185	0.0712899	-0.363515	1
XLOC_012252	WDR54	chr2:74648884-74652882	90.5128	70.3724	-0.363112	0.363587
XLOC_010253	LOC284276	chr18:74240611-74271784	0.00850461	0.00661269	-0.363008	1
XLOC_008961	LRRC37BP1	chr17:28903482-28964484	4.41465	3.4327	-0.362956	0.414285
XLOC_022695	NOXA1	chr9:140317846-140335901	8.86279	6.89483	-0.362245	0.594419

XLOC_003731	AQP11	chr11:77300679-77321401	1.05372	0.819796	-0.362156	0.746288
XLOC_002400	MAP3K8	chr10:30722949-30750762	1.10086	0.856537	-0.362043	0.679691
XLOC_011928	ZNF665	chr19:53666551-53696619	0.0240099	0.0186828	-0.36192	1
XLOC_015956	ACAD11,NPHP3	chr3:132276981-132593050	10.512	8.18116	-0.361657	0.612746
XLOC_020851	LOC728743	chr7:150102839-150109558	0.728146	0.566773	-0.361456	0.761614
XLOC_017676	ADAMTS6	chr5:64444562-64777704	0.0416075	0.0323895	-0.361319	1
XLOC_005833	PAN3	chr13:28710979-28869475	3.55349	2.76645	-0.361204	0.453878
XLOC_004990	THAP2	chr12:72003378-72074428	0.564338	0.439387	-0.361068	0.86224
XLOC_024212	TMLHE	chrX:154696200-154842622	7.1176	5.54175	-0.361051	0.567291
XLOC_002069	SMG7-AS1	chr1:183430010-183441117	0.0460432	0.0358492	-0.361046	1
XLOC_004410	XRRA1	chr11:74459912-74660232	10.3879	8.08816	-0.361016	0.439829
XLOC_001249	RERE	chr1:8412463-8877699	3.79813	2.95739	-0.360966	0.453878
XLOC_001806	ARNT	chr1:150782180-150849244	5.36868	4.18065	-0.36084	0.409203
XLOC_012409	EPB41L5	chr2:120770603-120936697	1.61131	1.25498	-0.360569	0.527665
XLOC_012864	MYADML	chr2:33951127-33953284	0.0120339	0.00937511	-0.360196	1
XLOC_001577	MYSM1	chr1:59120410-59165747	1.58262	1.23305	-0.36009	0.472023
XLOC_018207	MSH5,SAPCD1	chr6:31707724-31732624	9.01629	7.02489	-0.360058	0.551241
XLOC_001090	GJC2	chr1:228337414-228347527	0.0600238	0.0467671	-0.360041	1
XLOC_005173	TCTN2	chr12:124155659-124192950	2.06166	1.60649	-0.359895	0.628907
XLOC_017902	TNIP1	chr5:150409503-150467221	67.6625	52.7362	-0.359563	0.365235
XLOC_010297	ZNF519	chr18:14075988-14132489	0.352078	0.274469	-0.359253	1
XLOC_000734	SLC27A3	chr1:153747767-153752633	6.96381	5.42938	-0.359088	0.549024
XLOC_009358	FN3K	chr17:80693451-80709073	35.7124	27.8511	-0.35869	0.421836
XLOC_019136	LATS1	chr6:149979288-150039392	2.15664	1.68193	-0.358665	0.689772
XLOC_002853	ENKUR	chr10:25270907-25351208	0.192577	0.150202	-0.358526	1
XLOC_014601	LOC100132273	chr22:42486936-42521354	1.37954	1.07614	-0.358326	0.752435
XLOC_004443	CREBZF	chr11:85368607-85376182	5.33598	4.16284	-0.358184	0.416512
XLOC_013607	CBFA2T2	chr20:32077927-32237837	2.41929	1.88757	-0.358054	0.463403
XLOC_022566	ZBTB34	chr9:129622943-129648156	2.40198	1.87438	-0.357813	0.475587
XLOC_024047	CUL4B	chrX:119658445-119709684	7.25645	5.66321	-0.357644	0.354349
XLOC_020841	LOC155060	chr7:148982371-148994403	3.93979	3.07572	-0.357197	0.538959
XLOC_002280	HNRNPU-AS1	chr1:244998638-245010243	5.72396	4.4691	-0.357029	0.478004
XLOC_017031	LRP2BP	chr4:186131283-186300152	0.379211	0.296092	-0.356959	0.905257
XLOC_011237	ZNF587	chr19:58361180-58376491	1.60118	1.25029	-0.356868	0.511483
XLOC_011637	ZNF607	chr19:38187263-38210691	1.58244	1.23605	-0.356416	0.571233
XLOC_008458	DNAH3	chr16:20944475-21191937	0.0024324	0.00190009	-0.356313	1
XLOC_000149	OTUD3	chr1:20208887-20239437	1.61029	1.25812	-0.356052	0.530079
XLOC_018768	LY6G6C	chr6:31686424-31689511	0.0865088	0.067593	-0.355973	1
XLOC_007547	CATSPER2	chr15:43922771-43941039	0.735276	0.57464	-0.355629	0.779038
XLOC_018436	FOXO3	chr6:108881025-109005971	5.37894	4.2042	-0.35549	0.384403
XLOC_015726	MST1R	chr3:49924435-49941306	4.8266	3.77423	-0.354824	0.487833
XLOC_005639	LTA4H	chr12:96394530-96437298	101.499	79.373	-0.354744	0.361509
XLOC_004236	PATL1	chr11:59404191-59436511	13.9316	10.8951	-0.354684	0.371962
XLOC_016829	FAM175A	chr4:84377117-84406290	7.04222	5.50845	-0.354383	0.647419
XLOC_011500	AKAP8L	chr19:15490858-15529833	26.9631	21.0997	-0.353766	0.400165
XLOC_011304	ZNF77	chr19:2933215-2944969	2.69383	2.10822	-0.353634	0.609868
XLOC_007372	DNM1P41	chr15:85045805-85060078	0.236903	0.185408	-0.353594	1
XLOC_006881	DPF3	chr14:73136659-73360809	0.121193	0.0948658	-0.353349	1
XLOC_017745	SPATA9	chr5:94994019-95018714	0.0290158	0.02272	-0.352879	1

XLOC_020599	CDK14	chr7:90338711-90839904	0.0066779	0.00522901	-0.352857	1
XLOC_002797	TUBAL3	chr10:5435060-5446793	0.943955	0.739151	-0.352848	0.765759
XLOC_008410	CARHSP1	chr16:8946801-8962863	25.8638	20.253	-0.352801	0.392176
XLOC_002061	ZNF648	chr1:182023704-182030847	0.0238021	0.018645	-0.352297	1
XLOC_002252	IRF2BP2	chr1:234740014-234745271	21.0724	16.5071	-0.352263	0.368002
XLOC_006347	ATL1	chr14:50999799-51099784	0.54881	0.429948	-0.352146	0.748388
XLOC_001292	FLJ37453	chr1:16160709-16266950	2.9646	2.3227	-0.352033	0.902527
XLOC_018112	BTN3A3	chr6:26440699-26453643	0.947842	0.742637	-0.35199	0.720751
XLOC_016934	ELF2	chr4:139978870-140060630	4.00816	3.14137	-0.351547	0.506642
XLOC_000555	STXBP3	chr1:109289284-109352148	6.8807	5.39489	-0.350962	0.452276
XLOC_006921	STON2	chr14:81726993-81893748	0.00964262	0.00756056	-0.350932	1
XLOC_007994	HS3ST2	chr16:22825859-22927659	0.0118055	0.00925732	-0.35079	1
XLOC_011512	SLC35E1	chr19:16660647-16683193	15.6252	12.2557	-0.350425	0.38623
XLOC_022711	RFX3	chr9:3224646-3525983	0.606041	0.47539	-0.350304	0.748685
XLOC_000945	TROVE2	chr1:192981495-193060906	6.22267	4.88147	-0.350218	0.838517
XLOC_010020	NPTX1	chr17:78440632-78450404	0.00372125	0.00291928	-0.350175	1
XLOC_018033	C6orf201	chr6:4068592-4135831	0.0105211	0.00825497	-0.349944	1
XLOC_021759	ZFAT-AS1	chr8:135490030-135725292	0.058558	0.0459494	-0.34982	1
XLOC_000844	DDR2	chr1:162602227-162750247	0.0876613	0.0687975	-0.349584	1
XLOC_018381	CD109	chr6:74405507-74538041	1.24601	0.977971	-0.349446	0.494255
XLOC_017247	RGMB	chr5:98104998-98132198	7.31733	5.74479	-0.349063	0.423417
XLOC_006141	MRPS31P5	chr13:52741844-52768602	2.06512	1.62136	-0.349015	0.629512
XLOC_015249	PVRL3	chr3:110790605-110913016	1.27111	0.997981	-0.349001	0.570778
XLOC_015252	ABHD10	chr3:111697722-111712215	13.3653	10.4957	-0.348694	0.401008
XLOC_010354	HDHD2	chr18:44633780-44676871	5.98567	4.70116	-0.348496	0.478829
XLOC_009595	SLC6A4	chr17:28521336-28562986	0.0617427	0.0484957	-0.348412	1
XLOC_017331	MIR4461	chr5:134240809-134298336	6328.36	4971.71	-0.348091	0.960032
XLOC_005982	LINC00460	chr13:107028910-107030142	0.675655	0.530826	-0.348047	0.858806
XLOC_018127	LOC100131289	chr6:27729522-27730966	0.79739	0.626716	-0.347474	0.875956
XLOC_020928	ZNF12	chr7:6728063-6746566	4.19387	3.2967	-0.347258	0.450976
XLOC_014090	SAMD10	chr20:62605465-62610995	3.61565	2.84224	-0.34723	0.658043
XLOC_014108	CXADR	chr21:18885223-18965897	0.0449518	0.0353393	-0.347107	1
XLOC_018409	PM20D2	chr6:89855768-89875288	10.8902	8.56288	-0.346867	0.392178
XLOC_007175	TUBGCP4	chr15:43663312-43910998	7.06195	5.55353	-0.346661	0.80614
XLOC_006122	CAB39L	chr13:49882785-50018221	3.13837	2.4681	-0.346617	0.527718
XLOC_022489	NIPSNAP3A	chr9:107509968-107522403	5.7809	4.54689	-0.346414	0.552533
XLOC_017411	FBXO38	chr5:147763497-147822399	6.47821	5.0971	-0.345917	0.437585
XLOC_016134	PPP1R2	chr3:195241220-195270224	9.87535	7.7702	-0.34588	0.415024
XLOC_008814	NLGN2	chr17:7311501-7323179	22.9662	18.0706	-0.34587	0.392176
XLOC_004431	GAB2	chr11:77926335-78128868	2.56543	2.01898	-0.345574	0.490914
XLOC_009322	CBX2	chr17:77751976-77761449	7.30914	5.7527	-0.345463	0.45332
XLOC_013659	PLCG1	chr20:39766160-39804357	13.3964	10.5438	-0.345449	0.384397
XLOC_007985	UQCRC2	chr16:21964608-21994668	91.1353	71.7303	-0.345426	0.398652
XLOC_012706	PRSS56	chr2:233385172-233390425	0.379996	0.299098	-0.345364	0.894866
XLOC_016712	RPL9	chr4:39455744-39460568	5320.63	4188.29	-0.345237	0.459346
XLOC_001808	FAM63A	chr1:150969300-150980854	5.15168	4.05535	-0.345216	0.569689
XLOC_005374	DENND5B	chr12:31535156-31768285	0.554328	0.436385	-0.345137	0.622503
XLOC_014305	DNAJC28	chr21:34860237-34864023	0.291823	0.229733	-0.345134	1
XLOC_023897	SPIN2B	chrX:57146114-57147979	2.45696	1.9342	-0.345133	0.736934

XLOC_016534	RPS3A	chr4:152020724-152025804	3954.68	3113.85	-0.344864	0.460632
XLOC_023828	SLC9A7	chrX:46458685-46618607	5.42031	4.26855	-0.344632	0.385393
XLOC_006736	TINF2	chr14:24708850-24711880	16.7388	13.1822	-0.344602	0.435859
XLOC_018048	GCNT2	chr6:10521567-10629601	0.00754461	0.0059417	-0.34457	1
XLOC_010062	WDR45B	chr17:80572437-80606411	46.6113	36.7085	-0.344565	0.386855
XLOC_022723	C9orf123	chr9:7796490-7799799	28.8569	22.728	-0.344447	0.396333
XLOC_018362	KIAA1586	chr6:56911383-56920023	3.05487	2.40614	-0.344391	0.539141
XLOC_012037	RSAD2	chr2:7017795-7038363	0.00953243	0.00750838	-0.344343	1
XLOC_023496	SH3BGR1	chrX:80369199-80554046	18.2814	14.4024	-0.344068	0.483696
XLOC_005900	ST13P4	chr13:50746153-50747751	0.155029	0.122145	-0.343944	1
XLOC_006906	IRF2BPL	chr14:77490885-77495042	9.42439	7.42665	-0.343687	0.480199
XLOC_014420	TMEM191B	chr22:20377668-20380440	1.70318	1.34224	-0.343581	0.836571
XLOC_010672	OCEL1	chr19:17337054-17340028	27.7666	21.883	-0.343536	0.485006
XLOC_010724	ZNF430	chr19:21203425-21242852	1.26894	1.00009	-0.343493	0.619423
XLOC_014434	POM121L8P	chr22:21636713-21652015	0.321516	0.253415	-0.343387	1
XLOC_003312	OLFML1	chr11:7506599-7532606	0.0125174	0.00986642	-0.343338	1
XLOC_003217	NLRP6	chr11:278569-285388	0.0790671	0.0623259	-0.343245	1
XLOC_006159	COMMD6	chr13:76099349-76111991	68.9891	54.3832	-0.343207	0.379103
XLOC_001697	GSTM3	chr1:110276553-110283660	16.111	12.7047	-0.342688	0.390823
XLOC_005265	SLC2A3	chr12:8071823-8088892	15.1158	11.9204	-0.342617	0.414159
XLOC_006104	TPT1	chr13:45911303-45915297	4754.84	3749.87	-0.342556	0.462129
XLOC_021748	MYC	chr8:128748314-128753680	277.342	218.727	-0.342535	0.421289
XLOC_011080	ZNF766	chr19:52772823-52795976	4.63408	3.65477	-0.342503	0.501773
XLOC_011349	RFX2	chr19:5978413-6110664	2.58234	2.03672	-0.342427	0.606266
XLOC_021213	C7orf61	chr7:100054237-100061894	0.336332	0.265277	-0.342387	1
XLOC_000687	MLLT11	chr1:151032150-151040973	0.755961	0.596254	-0.342383	0.774876
XLOC_003949	PDCC1	chr11:767222-777487	15.9235	12.5604	-0.342273	0.403473
XLOC_018898	SUPT3H	chr6:44794466-45518819	4.03776	3.18504	-0.342245	0.598605
XLOC_014782	RFPL2	chr22:32586421-32600718	0.292091	0.23041	-0.342214	1
XLOC_005000	ZDHHC17	chr12:77157853-77247474	2.46018	1.94097	-0.341984	0.503549
XLOC_023418	GPR173	chrX:53078505-53109796	0.00409002	0.003227	-0.341912	1
XLOC_002724	BAG3	chr10:121410881-121437329	28.0317	22.1205	-0.341673	0.401008
XLOC_017649	ARL15	chr5:53180613-53606403	1.34621	1.06235	-0.341653	0.682986
XLOC_012600	ABI2	chr2:204193002-204296892	7.96045	6.28383	-0.341206	0.393326
XLOC_000432	DLEU2L	chr1:63989012-64038364	0.126425	0.0998088	-0.341038	1
XLOC_002963	ATOH7	chr10:69990351-69991870	0.178868	0.141222	-0.340928	1
XLOC_015809	TMF1	chr3:69068977-69101484	3.23157	2.55221	-0.34049	0.438793
XLOC_016402	PRDM8	chr4:81106423-81125482	20.1912	15.953	-0.339901	0.416925
XLOC_010925	BCL3	chr19:45251977-45263301	7.54535	5.9627	-0.339621	0.618251
XLOC_003599	PPP2R5B	chr11:64692142-64703360	17.6175	13.923	-0.339541	0.423172
XLOC_012471	FMNL2	chr2:153191750-153506348	8.09401	6.39957	-0.33888	0.41883
XLOC_000644	PIAS3	chr1:145575987-145589435	6.8543	5.42041	-0.338609	0.517556
XLOC_012580	AOX1	chr2:201450730-201536217	0.173421	0.137143	-0.338596	1
XLOC_023292	SMS	chrX:21958690-22012955	208.723	165.064	-0.338566	0.402378
XLOC_022474	TGFBR1	chr9:101867411-101916473	6.64791	5.25788	-0.338421	0.409331
XLOC_013424	TIGD1	chr2:233412778-233415283	1.82104	1.44043	-0.338263	0.740711
XLOC_009092	TMEM106A	chr17:41363893-41371589	0.733265	0.580043	-0.338176	0.765718
XLOC_008293	ZNF778	chr16:89284110-89295965	0.395981	0.313251	-0.338112	0.779038
XLOC_009299	PRCD	chr17:74523429-74541458	0.0959475	0.0759028	-0.338091	1

XLOC_016084	MAP6D1	chr3:183533663-183543393	8.18986	6.47891	-0.338088	0.540163
XLOC_005449	CSRP2	chr12:51454987-51477454	5.21043	4.12261	-0.337846	0.46756
XLOC_015005	CRTAP	chr3:33155449-33189265	36.9721	29.2533	-0.337841	0.406581
XLOC_011216	AURKC	chr19:57742376-57746916	1.08625	0.859738	-0.337383	0.810769
XLOC_021327	AKR1B1	chr7:134127106-134143888	0.0121204	0.00959353	-0.337299	1
XLOC_020690	HBP1	chr7:106809405-107218968	5.35276	4.23764	-0.337022	0.855458
XLOC_016511	RAB33B	chr4:140374960-140397069	1.37362	1.0875	-0.336967	0.652401
XLOC_006161	FBXL3	chr13:77579388-77601331	5.97328	4.72948	-0.336844	0.46587
XLOC_004468	SNORA18	chr11:93466631-93466763	30.2551	23.9555	-0.336821	0.922274
XLOC_021746	PCAT1	chr8:128025398-128033259	0.0718919	0.0569234	-0.336808	1
XLOC_021576	HOOK3	chr8:42752032-42885682	1.05191	0.832912	-0.33677	0.498276
XLOC_013001	GCFC2	chr2:75889831-75938111	12.9396	10.2462	-0.3367	0.625587
XLOC_002332	PFKFB3	chr10:6186842-6277507	18.5211	14.6668	-0.336617	0.403473
XLOC_003565	TTC9C	chr11:62495951-62506108	22.3663	17.7119	-0.336607	0.492305
XLOC_022911	GAS1	chr9:89559276-89562104	0.535863	0.424361	-0.336573	0.840418
XLOC_015967	DZIP1L	chr3:137780826-137834451	2.2253	1.76246	-0.336403	0.61923
XLOC_007991	LOC100132247	chr16:22524843-22547841	2.19775	1.74073	-0.336335	0.643053
XLOC_020828	OR2A1	chr7:144015217-144016150	0.0270266	0.0214092	-0.336147	1
XLOC_005898	KCNRG,TRIM13	chr13:50556687-50699677	3.98723	3.15857	-0.336117	0.539141
XLOC_017120	ZNF131	chr5:43121641-43175823	3.67496	2.9116	-0.335917	0.566136
XLOC_010704	TMEM59L	chr19:18723681-18731849	0.0914494	0.072456	-0.335868	1
XLOC_018239	RPS18	chr6:33239851-33244281	14181.1	11235.9	-0.335856	0.531358
XLOC_002822	FRMD4A	chr10:13685705-14372866	13.2113	10.4679	-0.335798	0.409203
XLOC_022926	AUH	chr9:93976096-94124206	7.96969	6.31489	-0.335765	0.547145
XLOC_015984	XRN1	chr3:142025448-142166853	1.38228	1.09537	-0.335631	0.514509
XLOC_015038	ZNF619	chr3:40518603-40531728	0.681295	0.539899	-0.33559	0.722516
XLOC_016638	ZFYVE28	chr4:2271323-2420370	5.45007	4.31974	-0.335533	0.610478
XLOC_006437	ACOT6	chr14:74083547-74086592	0.0431445	0.0341984	-0.335247	1
XLOC_016035	RARRES1	chr3:158414896-158450275	1.52988	1.21281	-0.33506	0.768328
XLOC_018804	HLA-DMA	chr6:32916390-32920899	0.717972	0.569184	-0.335032	0.859197
XLOC_015818	RYBP	chr3:72423743-72495774	6.30997	5.00259	-0.33496	0.458592
XLOC_022435	CENPP	chr9:95059639-95432547	1.80034	1.42756	-0.334715	0.919793
XLOC_015265	GRAMD1C	chr3:113557680-113666021	0.729303	0.578313	-0.334669	0.715378
XLOC_010278	LINC00526	chr18:5236722-5238028	1.77076	1.40422	-0.334596	0.773721
XLOC_007716	CIB2	chr15:78396947-78423877	23.3366	18.5065	-0.33456	0.4662
XLOC_015782	IL17RD	chr3:57124009-57199403	1.4065	1.11558	-0.334323	0.532783
XLOC_002618	LCOR	chr10:98592016-98724198	1.53646	1.21865	-0.334321	0.519864
XLOC_011753	PPP1R13L	chr19:45882891-45927177	2.86294	2.27108	-0.334121	0.983243
XLOC_002875	ARHGAP12	chr10:32094325-32217804	5.61372	4.45332	-0.334075	0.450505
XLOC_022821	TLN1	chr9:35697333-35749225	15.3749	12.1968	-0.334072	0.633194
XLOC_001303	CROCCP2	chr1:16944750-16957401	19.521	15.4873	-0.333934	0.491782
XLOC_004013	OR51B4	chr11:5322243-5323176	0.0955411	0.0758016	-0.333894	1
XLOC_010822	HKR1	chr19:37825579-37855357	7.43609	5.89985	-0.333867	0.470786
XLOC_010324	TRAPPC8	chr18:29409135-29523091	2.0866	1.65557	-0.333826	0.522524
XLOC_015833	PROS1	chr3:93591880-93692934	12.3924	9.83354	-0.333675	0.412911
XLOC_004040	MRPL17	chr11:6701615-6704632	48.3744	38.3877	-0.333598	0.418432
XLOC_017401	TCERG1	chr5:145826872-145891069	11.7359	9.31352	-0.333532	0.428853
XLOC_008128	MT1IP	chr16:56709648-56711653	0.0109831	0.00871717	-0.333352	1
XLOC_000752	EFNA3	chr1:155051347-155060014	36.8629	29.2604	-0.333217	0.444284

XLOC_003964	IFITM10	chr11:1490684-1785501	0.690085	0.547842	-0.333012	0.978269
XLOC_010477	GNA11	chr19:3094407-3121454	7.72286	6.13145	-0.332906	0.627868
XLOC_020443	EEPD1	chr7:36192835-36341152	1.8157	1.44158	-0.332873	0.633194
XLOC_017108	NIPBL	chr5:36876860-37065921	1.59399	1.26575	-0.332642	0.490042
XLOC_018235	HSD17B8	chr6:33172413-33174608	6.25361	4.96594	-0.332623	0.663177
XLOC_016173	FGFR3	chr4:1795038-1810599	4.89676	3.88862	-0.332568	0.552635
XLOC_000867	ATP1B1	chr1:169075946-169337186	8.95029	7.10769	-0.332554	0.72546
XLOC_008617	KIAA0895L	chr16:67204399-67217883	5.48054	4.35241	-0.332503	0.736122
XLOC_023194	RNF208	chr9:140114698-140115775	53.2139	42.27	-0.332169	0.472657
XLOC_016993	DDX60L	chr4:169277885-169401638	0.304299	0.241762	-0.331902	1
XLOC_009073	MLX	chr17:40719077-40729849	29.9905	23.8335	-0.331516	0.571238
XLOC_003392	CSTF3-AS1	chr11:33183202-33213142	0.0218359	0.0173554	-0.331317	1
XLOC_015061	ZNF35	chr3:44690232-44702283	2.30101	1.82893	-0.331273	0.623996
XLOC_017210	PAPD4	chr5:78908242-78982471	6.08621	4.83756	-0.331265	0.478623
XLOC_011432	RAB3D	chr19:11406823-11450344	11.8222	9.39758	-0.331135	0.437702
XLOC_011917	ZNF83	chr19:53115617-53193886	3.29662	2.62065	-0.331064	0.554334
XLOC_001338	RAP1GAP	chr1:21922707-21995856	3.76578	2.99413	-0.330811	0.580093
XLOC_007574	FLJ10038	chr15:50569388-50650503	0.91032	0.723833	-0.330717	0.869722
XLOC_003006	C10orf55	chr10:75669726-75682535	0.202646	0.161132	-0.330714	1
XLOC_012301	TEKT4	chr2:95534429-95613087	0.488393	0.388346	-0.3307	0.886464
XLOC_022310	LOC100129250	chr9:32540541-32553015	16.1639	12.855	-0.330446	0.912548
XLOC_023965	SATL1	chrX:84258897-84363974	0.502994	0.400027	-0.330442	0.943284
XLOC_011935	VSTM1	chr19:54544079-54567207	0.0276204	0.0219667	-0.330414	1
XLOC_015804	MAG11	chr3:65339905-66024509	0.875971	0.696711	-0.330323	0.647257
XLOC_003777	ENDOD1	chr11:94822973-94865815	0.293208	0.233215	-0.330263	1
XLOC_014662	CECR1	chr22:17660191-17690779	0.0151251	0.0120305	-0.330255	1
XLOC_020335	GPER	chr7:1036622-1177893	0.188881	0.150243	-0.330183	1
XLOC_003036	ACTA2	chr10:90694830-90775542	2.60891	2.07524	-0.330169	0.870297
XLOC_017990	ZNF354A	chr5:178138521-178157703	6.33659	5.04052	-0.330135	0.500983
XLOC_019073	PTPRK	chr6:128289923-128841870	1.33944	1.06549	-0.33012	0.587446
XLOC_009966	GGA3	chr17:73232693-73267311	11.334	9.01596	-0.330102	0.773159
XLOC_014597	SEPT3	chr22:42372930-42394225	7.94693	6.32192	-0.330035	0.517827
XLOC_010710	SLC25A42	chr19:19174802-19223841	3.70519	2.94779	-0.329915	0.612717
XLOC_006017	ZMYM5	chr13:20397623-20437776	4.61119	3.66928	-0.32964	0.655872
XLOC_012106	C2orf16	chr2:27799388-27805589	0.120864	0.0961779	-0.329611	1
XLOC_001379	NR0B2	chr1:27237974-27240567	0.0263305	0.0209544	-0.329487	1
XLOC_006978	HSP90AA1	chr14:102547074-102606086	331.074	263.503	-0.329332	0.454256
XLOC_022158	LOC100131726	chr8:124194751-124222318	0.0474533	0.0377726	-0.329171	1
XLOC_001741	TRIM45	chr1:117653676-117664411	0.429376	0.341813	-0.329031	0.797588
XLOC_020400	STK31	chr7:23749785-23872130	0.0584687	0.0465474	-0.328963	1
XLOC_011096	ZNF845	chr19:53837001-53858122	1.20207	0.957008	-0.32892	0.62969
XLOC_018648	LOC100130357	chr6:12717036-13295818	0.212488	0.169171	-0.3289	1
XLOC_000557	GPSM2	chr1:109419602-109506111	1.44244	1.14858	-0.328664	0.899947
XLOC_003021	MAT1A	chr10:82031575-82049434	0.00517015	0.00411687	-0.328659	1
XLOC_007752	LOC388152,LOC6	chr15:84860599-84898920	13.3342	10.6179	-0.328631	0.46877
XLOC_020995	LOC401320	chr7:30587972-30617395	0.610068	0.48592	-0.32825	0.74612
XLOC_021534	HMBOX1	chr8:28747910-28910242	0.85276	0.679244	-0.32821	0.732319
XLOC_010894	CIC	chr19:42788816-42799949	9.90706	7.89125	-0.328203	0.462752
XLOC_013371	NHEJ1	chr2:219940045-220025587	8.48751	6.76175	-0.327946	0.533383

XLOC_006351	FRMD6	chr14:51921229-52197444	18.5296	14.7634	-0.327812	0.424678
XLOC_021570	AP3M2	chr8:42010463-42028701	4.9762	3.96488	-0.327768	0.508043
XLOC_006838	RTN1	chr14:60062693-60337557	0.0273705	0.0218175	-0.327137	1
XLOC_009921	MIR4315-1,PLEKHA1	chr17:62780958-62833302	1.99315	1.58892	-0.327004	0.784328
XLOC_013633	DLGAP4	chr20:34995443-35157040	23.8929	19.0483	-0.326921	0.439404
XLOC_013952	NDRG3	chr20:35280168-35374541	5.93781	4.73518	-0.326514	0.506617
XLOC_019094	SGK1	chr6:134490383-134639196	2.6996	2.153	-0.326393	0.658831
XLOC_023528	LINC00630	chrX:102024094-102140338	0.238521	0.190277	-0.326021	1
XLOC_018131	HIST1H4J	chr6:27791902-27792258	1.454	1.15999	-0.325924	0.923579
XLOC_017385	PCDHB19P	chr5:140619688-140624312	0.0346837	0.0276725	-0.325805	1
XLOC_007923	NUDT16L1	chr16:4743693-4745860	29.4655	23.5108	-0.325707	0.499006
XLOC_001219	PANK4	chr1:2439974-2458035	10.4826	8.36529	-0.325505	0.529265
XLOC_010021	BAIAP2-AS1	chr17:79002932-79008519	3.02109	2.41098	-0.325447	0.584417
XLOC_021140	CACNA2D1	chr7:81579417-82073031	0.149831	0.119603	-0.325091	1
XLOC_018392	DOPEY1	chr6:83777384-83906256	0.342018	0.273045	-0.324935	1
XLOC_006667	CRIP1	chr14:105953256-105955124	0.78979	0.630567	-0.32482	0.922216
XLOC_021162	SAMD9L	chr7:92759367-92777680	0.0701079	0.0559873	-0.324475	1
XLOC_020640	AP4M1	chr7:99690403-99723128	23.9656	19.1409	-0.324305	0.946021
XLOC_000058	PHF13	chr1:6673755-6684093	5.6859	4.54126	-0.324296	0.531494
XLOC_021347	JHDM1D	chr7:139784545-139876741	1.63216	1.30361	-0.324269	0.532219
XLOC_004829	SPATS2	chr12:49760687-49921207	9.57292	7.64653	-0.324153	0.473081
XLOC_022113	STK3	chr8:99466858-99954799	5.99737	4.79092	-0.324026	0.521675
XLOC_022294	DENND4C	chr9:19230762-19374137	2.52025	2.0139	-0.323574	0.494507
XLOC_014460	DDTL	chr22:24309025-24322019	2.01949	1.61408	-0.323274	0.961218
XLOC_018514	MYB	chr6:135502452-135540311	0.914136	0.730672	-0.323185	0.730925
XLOC_001914	NES	chr1:156638555-156647189	5.89377	4.7112	-0.323096	0.495723
XLOC_018303	GNMT	chr6:42928499-42946981	0.236948	0.189405	-0.323095	1
XLOC_007242	LACTB	chr15:63413998-63434260	7.45029	5.95557	-0.323056	0.541442
XLOC_018487	TRMT11	chr6:126307575-126360420	7.77611	6.21607	-0.323047	0.538495
XLOC_005567	RPSAP52	chr12:66151799-66360071	1.97744	1.5809	-0.322892	0.968469
XLOC_012615	CREB1	chr2:208394615-208470284	1.7937	1.43406	-0.322836	0.519005
XLOC_013695	PCIF1	chr20:44563316-44576662	10.8048	8.63867	-0.322788	0.530096
XLOC_019009	USP45	chr6:99880183-99963252	1.2371	0.989091	-0.322784	0.604499
XLOC_007804	TM2D3	chr15:102182048-102192594	19.9034	15.9143	-0.32269	0.492699
XLOC_007601	ZNF280D	chr15:56922373-57025787	2.98863	2.38967	-0.322675	0.654938
XLOC_010913	ZNF223	chr19:44556163-44572142	1.05371	0.842603	-0.322549	0.74244
XLOC_003635	CST6	chr11:65779461-65780976	0.0531433	0.0424983	-0.322484	1
XLOC_022485	SMC2	chr9:106856540-106903700	4.85467	3.88261	-0.322347	0.459456
XLOC_006338	PRPF39	chr14:45553301-45603732	6.60265	5.28068	-0.322321	0.831614
XLOC_002091	ZBTB41	chr1:197122813-197169672	0.462955	0.370316	-0.322115	0.689772
XLOC_012588	STRADB	chr2:202316391-202345574	18.6548	14.922	-0.322102	0.459975
XLOC_020662	MUC12	chr7:100612903-100662230	0.309547	0.247625	-0.322006	1
XLOC_013556	PLK1S1	chr20:21106623-21227258	5.9297	4.74405	-0.321841	0.557559
XLOC_016129	TMEM44	chr3:194304996-194354150	15.3953	12.3171	-0.321832	0.527718
XLOC_004741	GPRC5A	chr12:13043955-13066600	8.88983	7.113	-0.321697	0.54033
XLOC_015297	LOC100129550	chr3:122605359-122611263	1.12718	0.901947	-0.321607	0.643053
XLOC_002766	LRRRC27	chr10:134145613-134195010	3.66495	2.93263	-0.321601	0.70878
XLOC_005815	C1QTNF9	chr13:24883715-24896669	0.019572	0.0156628	-0.321442	1
XLOC_016880	TBCK	chr4:106967232-107270381	1.54798	1.23881	-0.321432	0.935543

XLOC_009519	NCOR1	chr17:15933407-16118874	1.54414	1.23577	-0.321397	0.568837
XLOC_003071	ARHGAP19,SLIT1	chr10:98757794-99052430	2.09763	1.67874	-0.321385	0.569924
XLOC_014610	PNPLA3	chr22:44319618-44343448	0.915608	0.732866	-0.321182	0.774876
XLOC_007511	C15orf52	chr15:40623652-40633168	0.0621808	0.0497745	-0.321062	1
XLOC_009206	VMP1	chr17:57784862-57917952	62.6757	50.1739	-0.320968	0.439781
XLOC_018869	FRS3	chr6:41737913-41747630	4.05731	3.24828	-0.320848	0.663419
XLOC_007402	ZNF774	chr15:90895476-90904715	0.576374	0.461477	-0.320747	0.837065
XLOC_005411	ASB8	chr12:48541571-48551377	5.37946	4.30726	-0.320689	0.566913
XLOC_001197	ACAP3	chr1:1227763-1243269	6.74573	5.4016	-0.320589	0.565714
XLOC_006055	UBL3	chr13:30338544-30424820	4.68091	3.74843	-0.320504	0.519884
XLOC_009152	ABI3	chr17:47283595-47300587	0.0148468	0.0118894	-0.320479	1
XLOC_022282	KDM4C	chr9:6720862-7175648	3.49022	2.79571	-0.320105	0.538524
XLOC_017786	MARCH3	chr5:126203405-126366440	0.364802	0.292219	-0.320067	1
XLOC_023846	PIM2	chrX:48770458-48776413	17.9768	14.4006	-0.320007	0.486619
XLOC_006884	HEATR4	chr14:73945188-74025651	0.0309475	0.024791	-0.320007	1
XLOC_008909	MAPK7	chr17:19240866-19290532	8.25351	6.61192	-0.319938	0.817355
XLOC_022306	IFT74	chr9:26903367-27062931	3.58855	2.87494	-0.319865	0.897568
XLOC_000027	MIB2	chr1:1550794-1565990	9.78418	7.83861	-0.319853	0.554064
XLOC_012924	FANCL	chr2:58273776-58468515	8.19171	6.56283	-0.319847	0.644608
XLOC_019116	CITED2	chr6:139693391-139695787	7.52192	6.02698	-0.319667	0.593292
XLOC_010190	C18orf25	chr18:43753987-43846955	1.90896	1.52963	-0.319607	0.600802
XLOC_005725	FBXO21	chr12:117581584-117628300	4.48457	3.59394	-0.319405	0.538721
XLOC_018778	ZBTB12	chr6:31865561-31913449	5.51441	4.41944	-0.319343	0.673957
XLOC_020943	ANKMY2	chr7:16639400-16685442	6.18761	4.9601	-0.319014	0.545465
XLOC_018959	EEF1A1	chr6:74225472-74230755	6817.99	5465.43	-0.319012	0.418773
XLOC_014463	CABIN1	chr22:24407764-24574596	9.37978	7.52008	-0.318807	0.472023
XLOC_016118	MB21D2	chr3:192514604-192635950	1.96978	1.5796	-0.31848	0.664979
XLOC_014795	MYH9	chr22:36677322-36784063	63.0665	50.5748	-0.318456	0.460482
XLOC_007243	RAB8B	chr15:63481727-63559973	5.28652	4.23945	-0.318442	0.491753
XLOC_002397	BAMBI	chr10:28966423-28971868	6.28412	5.03979	-0.318348	0.629512
XLOC_004380	SHANK2	chr11:70313960-70935808	0.642202	0.515294	-0.317631	0.681053
XLOC_018836	SLC26A8	chr6:35911290-35992413	0.0117813	0.00945381	-0.31753	1
XLOC_011817	FUT1	chr19:49251267-49258647	2.82591	2.26775	-0.317448	0.622631
XLOC_000740	ATP8B2	chr1:154298035-154323780	0.869698	0.697939	-0.317413	0.699749
XLOC_015354	PPP2R3A	chr3:135684514-135866752	1.08057	0.867193	-0.317364	0.677269
XLOC_021312	UBE2H	chr7:129470572-129592800	11.3602	9.11732	-0.317311	0.444766
XLOC_005594	NAP1L1	chr12:76438671-76478738	171.341	137.515	-0.317275	0.4662
XLOC_022255	ZNF16	chr8:146155743-146176274	12.4978	10.0312	-0.317184	0.49034
XLOC_021120	POM121C	chr7:75039623-75115568	10.6164	8.52145	-0.317117	0.519754
XLOC_011288	BTBD2	chr19:1985446-2015702	81.4473	65.3841	-0.316927	0.447327
XLOC_016598	SNX25	chr4:186131283-186300152	4.92288	3.95204	-0.316905	0.566829
XLOC_022086	TMEM55A	chr8:92006501-92053203	7.90946	6.34981	-0.316865	0.539268
XLOC_002439	FAM35DP	chr10:47379719-47421238	0.216723	0.173999	-0.316774	1
XLOC_022509	SNX30	chr9:115513133-115637267	2.59265	2.08156	-0.316762	0.521734
XLOC_006803	MAP4K5	chr14:50885210-50999376	9.32373	7.48606	-0.316702	0.459935
XLOC_010816	ZNF567	chr19:37180301-37212225	2.86116	2.29726	-0.316688	0.612379
XLOC_015253	TAGLN3	chr3:111717585-111732735	0.0183037	0.0146971	-0.316604	1
XLOC_005692	GIT2	chr12:110367606-110434194	7.42778	5.96429	-0.316581	0.580016
XLOC_012040	ID2	chr2:8822112-8824583	2.50081	2.00821	-0.316485	0.754905

XLOC_022166	TMEM65	chr8:125323158-125384940	4.93498	3.96297	-0.316462	0.527718
XLOC_010679	SLC27A1	chr19:17581299-17616977	5.92624	4.75912	-0.316423	0.590662
XLOC_003799	CUL5	chr11:107879407-107978488	2.2613	1.81613	-0.316287	0.542456
XLOC_000654	NBPF15,NBPF16	chr1:148558187-148596267	6.13291	4.92635	-0.316053	0.500835
XLOC_017687	GUSBP9,SMA5	chr5:69776869-69881549	0.622822	0.500293	-0.316046	0.881554
XLOC_023877	KDM5C	chrX:53220502-53254604	21.2652	17.083	-0.31593	0.444192
XLOC_015669	ALS2CL	chr3:46710484-46735194	6.37611	5.12281	-0.31574	0.537566
XLOC_000338	ST3GAL3	chr1:44173203-44396837	3.60459	2.89622	-0.315663	0.672955
XLOC_011197	RFPL4A	chr19:56270506-56274541	0.271627	0.218281	-0.315441	1
XLOC_000871	GORAB	chr1:170501262-170522974	2.0286	1.63084	-0.314873	0.664469
XLOC_000762	ASH1L-AS1	chr1:155305051-155533735	1.94768	1.56579	-0.314871	0.93305
XLOC_001950	TAGLN2	chr1:159887902-159895284	73.0729	58.7535	-0.31466	0.472305
XLOC_003507	DTX4	chr11:58939811-58980494	1.45824	1.17259	-0.314529	0.648844
XLOC_015601	TBC1D5	chr3:17198653-17784240	3.59429	2.89048	-0.3144	0.502454
XLOC_005742	LOC100506668	chr12:120907659-120936298	4.53586	3.64802	-0.314261	0.938925
XLOC_007166	JMJD7,JMJD7-PL	chr15:42120282-42186275	18.6849	15.0293	-0.314101	0.572911
XLOC_014773	PLA2G3	chr22:31530792-31536469	0.0104289	0.00838984	-0.313879	1
XLOC_020924	FAM220A	chr7:6369039-6388590	6.73014	5.4147	-0.313756	0.58701
XLOC_008147	CCDC135	chr16:57728712-57765367	0.0981982	0.0790107	-0.313648	1
XLOC_020511	ZNF138	chr7:64254765-64314178	3.2903	2.64834	-0.313134	0.612746
XLOC_009570	UNC119	chr17:26873724-26879646	74.3144	59.8202	-0.313009	0.461367
XLOC_021383	PDIA4	chr7:148700153-148725782	63.0214	50.7308	-0.312979	0.472728
XLOC_007637	PARP16	chr15:65550436-65579018	7.71372	6.20974	-0.312893	0.558912
XLOC_004363	TBX10	chr11:67398773-67407031	0.0189138	0.0152279	-0.312719	1
XLOC_012977	RAB11FIP5	chr2:73300509-73340146	20.0373	16.1326	-0.312714	0.465794
XLOC_004553	TMPRSS13	chr11:117771355-117800168	0.00552095	0.0044451	-0.312702	1
XLOC_022281	UHRF2	chr9:6413150-6507051	5.55712	4.47492	-0.312478	0.529265
XLOC_004308	CDC42BPG	chr11:64591661-64612041	0.0847663	0.0682616	-0.312418	1
XLOC_018123	PRSS16	chr6:27215501-27224399	1.94285	1.56461	-0.31237	0.727856
XLOC_008397	CDIP1	chr16:4560676-4588816	0.00769036	0.00619395	-0.312192	1
XLOC_007739	GOLGA6L10	chr15:83009406-83018198	0.0548898	0.0442141	-0.312031	1
XLOC_023554	MID2	chrX:107069083-107174867	1.3496	1.08717	-0.311951	0.611781
XLOC_006443	CCDC176	chr14:74486058-74551196	0.53237	0.428852	-0.311951	0.877022
XLOC_007343	FAH	chr15:80445232-80478924	30.1326	24.2743	-0.311899	0.492276
XLOC_011920	ZNF28	chr19:53300660-53324922	1.4916	1.20181	-0.311653	0.636892
XLOC_015207	CRYBG3	chr3:97540883-97691295	0.27433	0.221034	-0.311645	1
XLOC_018161	HLA-A	chr6:29910246-29913661	1184.17	954.146	-0.311591	0.506569
XLOC_007692	FAM219B	chr15:75192327-75199462	9.23194	7.43969	-0.311392	0.503669
XLOC_014624	LOC150381	chr22:46446338-46454402	3.50186	2.8225	-0.311149	0.711195
XLOC_021474	LOC100506990	chr8:12294521-12523120	4.18369	3.37215	-0.311108	0.700234
XLOC_020847	C7orf29	chr7:149944300-150035245	17.0482	13.7422	-0.311	0.712857
XLOC_015997	CP	chr3:148847370-148939832	1.6508	1.33075	-0.31092	0.773194
XLOC_017251	PPIP5K2	chr5:102455957-102539224	2.545	2.05171	-0.310843	0.548709
XLOC_002924	ARHGAP22	chr10:49654067-49864310	37.074	29.8906	-0.310713	0.476106
XLOC_003916	KCNJ5	chr11:128761312-128787951	0.0123623	0.00996762	-0.310623	1
XLOC_020393	KLHL7	chr7:23145352-23215038	11.9226	9.61421	-0.310465	0.705123
XLOC_007218	TMOD2	chr15:52043757-52108558	0.826011	0.666092	-0.31044	0.629512
XLOC_006423	TTC9	chr14:71108503-71142077	0.6578	0.530624	-0.309961	0.739517
XLOC_019014	HACE1	chr6:105175967-105307794	0.885253	0.714206	-0.30975	0.714911

XLOC_015200	C3orf38	chr3:88101099-88207115	4.85507	3.91718	-0.309676	0.838902
XLOC_008417	SOCS1	chr16:11348273-11350039	2.72408	2.19792	-0.309632	0.840418
XLOC_011000	SEC1P	chr19:49141271-49185502	0.081271	0.0655844	-0.309389	1
XLOC_013195	BAZ2B	chr2:160175489-160473059	0.988312	0.79778	-0.308975	0.614872
XLOC_012718	SAG	chr2:234216308-234255701	0.0247504	0.0199815	-0.308788	1
XLOC_017803	GDF9	chr5:132196877-132200477	0.127735	0.103132	-0.308662	1
XLOC_016689	LCORL	chr4:17812435-18023483	3.23082	2.60856	-0.308647	0.844936
XLOC_018043	PIP5K1P1	chr6:7727010-8102828	0.0145883	0.0117787	-0.308635	1
XLOC_009662	FBXL20	chr17:37408896-37557909	2.35011	1.8976	-0.308553	0.513296
XLOC_011164	LENG8	chr19:54960064-54974894	9.75764	7.87959	-0.308413	0.71451
XLOC_015816	EIF4E3	chr3:71728439-71804328	3.19977	2.58451	-0.308077	0.536166
XLOC_005624	BTG1,LOC256021	chr12:92378751-92539673	16.1453	13.0416	-0.307986	0.474825
XLOC_014181	BACE2	chr21:42539727-42648524	19.1994	15.509	-0.307958	0.495723
XLOC_018475	HSF2	chr6:122720695-122754264	6.53303	5.27733	-0.307943	0.536181
XLOC_014906	DENND6B	chr22:50750391-50765489	3.71981	3.00494	-0.307893	0.711466
XLOC_008296	RPL13	chr16:89627064-89633237	971.512	784.917	-0.307693	0.542539
XLOC_003242	BRSK2	chr11:1411128-1483919	10.2055	8.24539	-0.307682	0.540678
XLOC_018627	ECI2	chr6:4068592-4135831	32.9054	26.5915	-0.307358	0.50153
XLOC_004831	KCNH3	chr12:49932939-49952077	0.780969	0.631126	-0.307339	0.8041
XLOC_003429	GYLTL1B	chr11:45943195-45950647	0.0146264	0.0118225	-0.307034	1
XLOC_015462	FXR1	chr3:180630233-180700539	5.93557	4.79785	-0.306998	0.480807
XLOC_012270	TMSB10	chr2:85132762-85133799	5367.34	4339	-0.306847	0.533297
XLOC_012189	CCDC104	chr2:55746739-55772216	56.7834	45.9092	-0.306685	0.473045
XLOC_001502	HYI	chr1:43855555-43919918	22.1261	17.8908	-0.306537	0.713975
XLOC_011101	ZNF331	chr19:54024176-54083523	0.390173	0.315494	-0.306504	0.778654
XLOC_017308	CSF2	chr5:131409484-131411863	0.0785056	0.0634804	-0.306486	1
XLOC_000632	NBPF9	chr1:144614958-144828810	1.06314	0.859773	-0.3063	0.744215
XLOC_006891	SYNDIG1L	chr14:74872595-74892805	0.0182755	0.0147808	-0.306189	1
XLOC_013697	SLC12A5	chr20:44650328-44688789	0.00348151	0.00281627	-0.305928	1
XLOC_022032	LOC100505718	chr8:69824037-70016425	4.15805	3.36362	-0.305889	0.625139
XLOC_001454	LOC728431	chr1:37920479-37940044	0.87212	0.705622	-0.305631	0.85132
XLOC_006777	FOXA1	chr14:38058756-38064325	1.31995	1.06798	-0.30559	0.747819
XLOC_022772	EQTN	chr9:27284653-27297137	0.0694171	0.0561665	-0.305581	1
XLOC_010114	TWSG1	chr18:9334764-9402418	8.45467	6.84099	-0.305542	0.501582
XLOC_000765	MSTO2P	chr1:155715558-155826972	0.291324	0.235789	-0.30513	1
XLOC_012531	HOXD3	chr2:177028804-177037826	0.997224	0.807238	-0.304924	0.816181
XLOC_002228	TRIM17	chr1:228595635-228604583	0.0161694	0.0130907	-0.304717	1
XLOC_006454	LOC731223	chr14:75761106-75763111	0.495265	0.400975	-0.30469	0.951036
XLOC_015241	BBX	chr3:107241782-107530176	2.32146	1.88054	-0.303884	0.558755
XLOC_022888	C9orf41	chr9:77597872-77643310	0.941062	0.76234	-0.303856	0.788779
XLOC_009135	NPEPPS	chr17:45608443-45700642	16.5398	13.3999	-0.303717	0.48457
XLOC_013329	FZD5	chr2:208627309-208634143	2.53487	2.05388	-0.303555	0.59484
XLOC_000743	CHRN2	chr1:154540256-154552353	0.00668627	0.00541799	-0.303445	1
XLOC_007311	C15orf39	chr15:75494220-75504510	6.89584	5.58882	-0.303184	0.557321
XLOC_009355	NARF	chr17:80416059-80446143	75.3812	61.1011	-0.303007	0.488643
XLOC_020462	BLVRA	chr7:43798271-43846941	47.2492	38.303	-0.302834	0.504261
XLOC_023521	ARMCX3	chrX:100878119-100882831	8.63625	7.00116	-0.302812	0.513296
XLOC_011586	CEP89	chr19:33369903-33462869	2.74624	2.2264	-0.302746	0.666304
XLOC_005479	KRT79	chr12:53215230-53228077	0.699424	0.567031	-0.302739	0.838891

XLOC_008976	RHOT1	chr17:30469472-30552746	5.95773	4.83013	-0.302702	0.553492
XLOC_009075	TUBG2	chr17:40811265-40819024	14.2231	11.5334	-0.302421	0.58485
XLOC_009251	PRKAR1A	chr17:66507920-66597095	23.1567	18.7789	-0.302315	0.545877
XLOC_009523	ZNF624	chr17:16524047-16557167	0.337997	0.2741	-0.302306	1
XLOC_000006	SAMD11	chr1:861120-894679	1.98787	1.6121	-0.302276	0.867427
XLOC_022551	NEK6	chr9:127019884-127114719	32.1395	26.0646	-0.302257	0.483429
XLOC_010034	ACTG1	chr17:79476996-79479892	3180.3	2579.26	-0.302208	0.574318
XLOC_003780	JRKL	chr11:96123157-96126727	1.57674	1.27882	-0.302133	0.677271
XLOC_009045	RAPGEFL1	chr17:38334241-38351906	3.00966	2.4413	-0.301948	0.642802
XLOC_016485	USP53	chr4:120133781-120216673	0.973255	0.789501	-0.301877	0.666681
XLOC_023516	CENPI	chrX:100354797-100417978	0.606262	0.4918	-0.301868	0.804051
XLOC_003185	UROS	chr10:127477146-127511837	23.6782	19.2122	-0.301533	0.535354
XLOC_005024	MRPL42	chr12:93861265-93897548	13.1147	10.6417	-0.301458	0.504261
XLOC_004260	EEF1G	chr11:62327072-62341460	4479.46	3634.86	-0.301426	0.589089
XLOC_008563	SIAH1	chr16:48274602-48420559	10.9984	8.92473	-0.301407	0.847763
XLOC_005155	MLXIP	chr12:122516651-122628967	5.08322	4.12491	-0.301378	0.567137
XLOC_018825	NUDT3,RPS10,Rf	chr6:34254972-34393902	6157.33	4996.89	-0.301275	0.554074
XLOC_008622	KCTD19	chr16:67311412-67360661	0.00565121	0.00458652	-0.30116	1
XLOC_005517	PMEL	chr12:56347888-56360496	0.89932	0.729905	-0.301126	0.804889
XLOC_023500	APOOL	chrX:84258897-84363974	2.29714	1.86464	-0.300936	0.599775
XLOC_001123	MTR	chr1:236958580-237067281	1.83534	1.48982	-0.300904	0.560049
XLOC_007773	PLIN1	chr15:90207599-90222648	0.10458	0.0848949	-0.30085	1
XLOC_004105	IGSF22	chr11:18720350-18747777	0.0142763	0.0115934	-0.300323	1
XLOC_011804	CARD8	chr19:48711342-48761450	3.10501	2.52185	-0.300113	0.89325
XLOC_008473	GGA2	chr16:23474862-23521815	9.68656	7.86749	-0.300082	0.502085
XLOC_020711	ST7-OT4	chr7:116592500-116870075	0.0954599	0.0775359	-0.30003	1
XLOC_014069	TCFL5	chr20:61448413-61493115	7.98983	6.48971	-0.300011	0.830017
XLOC_016458	HADH	chr4:108910869-108956331	42.2403	34.3098	-0.300001	0.502454
XLOC_002410	HSD17B7P2	chr10:38645307-38667433	0.642526	0.521977	-0.299771	0.866938
XLOC_015704	IMPDH2	chr3:49061761-49066875	320.567	260.466	-0.299532	0.510068
XLOC_015062	ZNF502	chr3:44754134-44765323	1.58696	1.28961	-0.299337	0.693923
XLOC_020992	FKBP14	chr7:30050198-30066417	2.48926	2.02297	-0.299244	0.59477
XLOC_023110	IER5L	chr9:131937830-131940540	26.5705	21.6005	-0.298756	0.535571
XLOC_008064	ORAI3	chr16:30960404-30966259	16.7395	13.6085	-0.298747	0.539689
XLOC_021057	HUS1	chr7:48002884-48019222	5.23245	4.25399	-0.298672	0.620178
XLOC_008428	CPPED1	chr16:12753655-12897744	1.43823	1.16936	-0.298566	0.642802
XLOC_020826	CTAGE4	chr7:143880547-143883173	0.237956	0.193479	-0.298513	1
XLOC_022479	MSANTD3,MSAN	chr9:103189494-103339918	82.8345	67.3598	-0.298344	0.499979
XLOC_021526	EPHX2	chr8:27348518-27402439	5.57252	4.53198	-0.298187	0.633246
XLOC_011194	CCDC106	chr19:56158953-56164526	0.809364	0.658256	-0.298141	0.87748
XLOC_001455	MEAF6	chr1:37955560-37980420	12.2835	9.99036	-0.298114	0.502136
XLOC_012137	CRIM1	chr2:36583369-36778278	9.11332	7.41238	-0.298041	0.503119
XLOC_005617	GALNT4,POC1B,f	chr12:89813497-89920039	5.78543	4.70613	-0.297884	0.571314
XLOC_000774	TMEM79	chr1:156252703-156262234	3.31163	2.69395	-0.297818	0.720322
XLOC_011838	SLC17A7	chr19:49932654-49944808	0.417221	0.339495	-0.297422	0.867031
XLOC_011915	ZNF616	chr19:52617652-52643191	1.22418	0.996311	-0.297146	0.730157
XLOC_011043	TBC1D17	chr19:50380681-50392007	11.6555	9.48607	-0.297124	0.592657
XLOC_010526	VAV1	chr19:6772678-6857377	0.0987784	0.0803953	-0.297084	1
XLOC_009327	RNF213	chr17:78234659-78411884	1.15246	0.938123	-0.296868	0.683985

XLOC_019033	AKD1	chr6:109814058-110012415	0.662548	0.539359	-0.296778	0.811316
XLOC_013839	RNF24	chr20:3912068-3996216	3.07636	2.50442	-0.296744	0.650147
XLOC_010193	CTIF	chr18:46065426-46389586	10.7938	8.78743	-0.296693	0.522524
XLOC_007805	TARSL2	chr15:102193954-102264645	3.07696	2.5053	-0.296521	0.630699
XLOC_014259	LTN1	chr21:30300465-30365277	1.14371	0.931259	-0.29647	0.638482
XLOC_022956	HSD17B3	chr9:98997588-99064434	0.445218	0.362538	-0.296379	0.897332
XLOC_018876	TRERF1	chr6:42192668-42419783	2.75094	2.24026	-0.29626	0.579868
XLOC_022840	SHB	chr9:37915894-38069210	10.2476	8.34534	-0.296247	0.527665
XLOC_007567	SECISBP2L	chr15:49280834-49338760	2.10691	1.71624	-0.295882	0.581347
XLOC_005206	ZNF26	chr12:133562933-133589154	4.77401	3.88891	-0.295835	0.589734
XLOC_021895	CSGALNACT1	chr8:19261671-19540261	0.0992563	0.0808673	-0.295603	1
XLOC_003186	DHX32	chr10:127512103-127569884	13.859	11.2916	-0.295569	0.802621
XLOC_006158	TBC1D4	chr13:75858808-76056250	4.92399	4.01189	-0.295544	0.542718
XLOC_010111	SOGA2	chr18:8717368-8832775	3.86568	3.14969	-0.295515	0.590448
XLOC_014759	GATSL3	chr22:30681106-30685616	3.61099	2.94252	-0.295343	0.766913
XLOC_004031	PRKCDPB	chr11:6340175-6341740	25.4446	20.7393	-0.294993	0.6442
XLOC_008841	ALOX15B	chr17:7942357-7952451	0.00813444	0.00663039	-0.294951	1
XLOC_002626	HOGA1	chr10:99344101-99372555	0.0934335	0.0761578	-0.294947	1
XLOC_014902	HDAC10	chr22:50683612-50689834	12.556	10.2348	-0.294887	0.586579
XLOC_001515	CCDC163P	chr1:45959597-45965751	0.991485	0.808235	-0.294816	0.804694
XLOC_010767	UBA2	chr19:34919267-34960798	24.2078	19.7367	-0.294593	0.508556
XLOC_017556	SLC6A3	chr5:1392904-1445543	0.00778171	0.00634446	-0.294589	1
XLOC_009994	MXRA7	chr17:74671808-74707056	50.8173	41.4361	-0.294433	0.51348
XLOC_022516	RGS3	chr9:116207008-116360023	8.93983	7.28961	-0.294406	0.6565
XLOC_017723	SSBP2	chr5:80256507-81047072	1.64961	1.3452	-0.294306	0.907121
XLOC_001118	TBCE	chr1:235530727-235667781	5.04058	4.1111	-0.294064	0.862406
XLOC_016929	SCLT1	chr4:129805151-130014764	2.06631	1.68533	-0.294023	0.677324
XLOC_017138	IL31RA	chr5:55147206-55218682	0.0269223	0.0219632	-0.293717	1
XLOC_005266	C3AR1	chr12:8210918-8218955	0.302466	0.246778	-0.293558	1
XLOC_011381	FBN3	chr19:8130286-8212385	0.00347169	0.00283261	-0.293506	1
XLOC_017250	PAM	chr5:102201526-102366808	11.2189	9.15392	-0.293476	0.516809
XLOC_001048	SMYD2	chr1:214454564-214510477	21.5246	17.5634	-0.293412	0.539297
XLOC_011248	ZNF584	chr19:58920062-58929692	6.22597	5.08022	-0.293408	0.627235
XLOC_007844	SSTR5	chr16:1114081-1131454	0.0176145	0.0143731	-0.293395	1
XLOC_022739	RPS6	chr9:19376253-19380235	5128.89	4185.1	-0.293383	0.581347
XLOC_011027	RPS11	chr19:49999621-50002969	6434.47	5250.45	-0.29338	0.568199
XLOC_001891	PKLR	chr1:155247217-155271225	0.373553	0.304818	-0.293366	0.905545
XLOC_018292	PRICKLE4	chr6:41748499-41755110	1.94731	1.58929	-0.293099	0.798422
XLOC_013594	ASXL1	chr20:30946146-31027122	11.9385	9.74409	-0.293023	0.743033
XLOC_017528	RUFY1	chr5:178977561-179037027	11.1914	9.13462	-0.292972	0.565031
XLOC_002687	ADD3	chr10:111705316-111895323	3.04517	2.48559	-0.292936	0.599713
XLOC_001439	ZMYM6	chr1:35451766-35497569	1.80066	1.46983	-0.292879	0.633281
XLOC_018160	HLA-H	chr6:29855382-29858856	13.9372	11.3778	-0.292723	0.593645
XLOC_013685	WFDC2	chr20:44098393-44110172	0.0504658	0.0412122	-0.292234	1
XLOC_021118	GATSL2	chr7:74807604-74867341	0.0345014	0.0281809	-0.291935	1
XLOC_010045	PCYT2	chr17:79860071-79869340	13.7803	11.2564	-0.291865	0.560668
XLOC_011576	ZNF681	chr19:23921996-23941693	0.445025	0.363533	-0.291801	0.758088
XLOC_001831	HRNR	chr1:152184551-152196672	0.0026691	0.00218051	-0.291684	1
XLOC_005386	YAF2	chr12:42550906-42632154	2.66395	2.17656	-0.291514	0.623996

XLOC_014512	INPP5J	chr22:31518960-31530683	2.83959	2.32049	-0.291253	0.737677
XLOC_008472	COG7	chr16:23399813-23464512	5.96475	4.87486	-0.291102	0.607733
XLOC_006124	EBPL	chr13:50234809-50265623	133.959	109.516	-0.29065	0.509743
XLOC_016822	SEC31A	chr4:83739813-83812419	6.42643	5.25412	-0.290568	0.565953
XLOC_018980	SNX14	chr6:86215214-86303629	11.4605	9.37051	-0.290473	0.527664
XLOC_011575	ZNF675	chr19:23835707-23870017	1.9834	1.62173	-0.290435	0.722516
XLOC_022889	NMRK1	chr9:77676115-77703133	10.1644	8.31186	-0.290284	0.629991
XLOC_021066	SEC61G	chr7:54819939-54826939	361.543	295.675	-0.290152	0.52085
XLOC_015950	ASTE1	chr3:130569368-130745646	2.03887	1.66746	-0.290116	0.935829
XLOC_004116	FANCF	chr11:22644078-22647387	4.26637	3.48926	-0.290088	0.630584
XLOC_017863	HDAC3	chr5:141000442-141016423	69.0139	56.4471	-0.289987	0.523254
XLOC_004361	DOC2GP	chr11:67380994-67383135	0.132295	0.108209	-0.289933	1
XLOC_008576	RPGRIP1L	chr16:53633817-53737771	0.348429	0.284995	-0.289928	1
XLOC_020344	LFNG	chr7:2552162-2568810	2.99391	2.44886	-0.289919	0.779998
XLOC_002515	FAM149B1	chr10:74927876-75001939	1.98885	1.62693	-0.289777	0.700234
XLOC_008295	SPG7	chr16:89574804-89624174	22.2448	18.1986	-0.289637	0.525848
XLOC_014758	OSM	chr22:30658818-30662829	0.012378	0.0101292	-0.289251	1
XLOC_005259	CD163L1	chr12:7507556-7596749	0.174934	0.14316	-0.28918	1
XLOC_006892	NPC2	chr14:74946642-74960084	254.309	208.136	-0.28906	0.781136
XLOC_013959	BLCAP	chr20:36145818-36156333	35.9101	29.3913	-0.289003	0.530857
XLOC_015287	EAF2	chr3:121554033-121605373	1.51688	1.24176	-0.288719	0.821824
XLOC_007589	FAM214A	chr15:52873517-52970820	1.66172	1.3604	-0.288651	0.679452
XLOC_003174	CPXM2	chr10:125505151-125651500	0.0140436	0.0114972	-0.288634	1
XLOC_023941	FTX	chrX:73164158-73513409	0.603299	0.493962	-0.288473	0.914371
XLOC_009320	ENGASE	chr17:77071018-77084685	4.44905	3.64403	-0.287961	0.630699
XLOC_012108	GPN1	chr2:27848505-27917847	28.5824	23.4119	-0.287884	0.776629
XLOC_007191	DUOX1	chr15:45422191-45457774	0.0260495	0.0213401	-0.287689	1
XLOC_008585	BBS2	chr16:56518258-56554008	12.8918	10.5623	-0.287529	0.552291
XLOC_003033	KLLN	chr10:89618917-89623194	0.274509	0.22492	-0.287441	1
XLOC_013619	TP53INP2	chr20:33292147-33301237	6.69662	5.48747	-0.287292	0.58823
XLOC_022276	KIAA1432	chr9:56291118-5776556	1.4339	1.175	-0.28728	0.650967
XLOC_022335	CCDC107	chr9:35658286-35665278	14.0359	11.5027	-0.287157	0.818092
XLOC_005397	LOC400027	chr12:46119502-46121704	6.71866	5.50634	-0.28708	0.636892
XLOC_009309	SEPT9	chr17:75277491-75496678	42.2229	34.605	-0.287044	0.533447
XLOC_003224	LRRC56	chr11:537521-560779	2.38597	1.95551	-0.287033	0.771042
XLOC_016532	DCLK2	chr4:150999425-151178608	0.621443	0.509333	-0.287014	0.80614
XLOC_018863	TREM2	chr6:41126243-41130924	0.0351594	0.0288184	-0.28692	1
XLOC_015893	LRRC58	chr3:120043575-120068186	4.51869	3.70408	-0.286791	0.533297
XLOC_022463	LOC441454	chr9:99671356-99672737	0.319721	0.262089	-0.286757	1
XLOC_003382	ELP4	chr11:31531296-31805329	12.5497	10.288	-0.286691	0.597911
XLOC_015621	OSBPL10	chr3:31702316-32033228	6.87394	5.63529	-0.286647	0.584417
XLOC_017284	ZNF474	chr5:121465214-121489266	8.70234	7.13428	-0.286637	0.61138
XLOC_022958	ZNF367	chr9:99148224-99180669	3.4137	2.79864	-0.286608	0.633533
XLOC_004567	RPS25	chr11:118868851-118889057	4964.48	4071.3	-0.286153	0.568684
XLOC_015064	KIF15	chr3:44803208-44894748	2.1336	1.75022	-0.285748	0.644761
XLOC_010718	ZNF101	chr19:19779662-19791138	3.23095	2.6506	-0.285637	0.726061
XLOC_010279	ZBTB14	chr18:5289017-5297052	1.70424	1.39816	-0.285596	0.713886
XLOC_008474	EARS2	chr16:23533333-23568696	10.1279	8.30985	-0.285447	0.543076
XLOC_020872	LOC100128822	chr7:152161208-152162630	7.53278	6.1808	-0.285389	0.729546

XLOC_005803	IFT88	chr13:21141207-21265576	1.20844	0.991612	-0.285294	0.749717
XLOC_016377	MTHFD2L	chr4:75023828-75168814	0.911969	0.748464	-0.28505	0.802177
XLOC_013355	DIRC3	chr2:218148745-218621316	0.00475407	0.00390216	-0.284891	1
XLOC_005536	RDH16	chr12:57345215-57351418	0.159609	0.131011	-0.284856	1
XLOC_016463	CCDC109B	chr4:110481354-110608872	37.5543	30.8285	-0.284712	0.552726
XLOC_007418	CHD2	chr15:93443550-93571237	7.28239	5.97818	-0.284706	0.679486
XLOC_008387	NLRC3	chr16:3550944-3627392	0.181904	0.149327	-0.284702	1
XLOC_012917	CCDC88A	chr2:55514977-55647057	1.28827	1.05769	-0.284514	0.639952
XLOC_003257	KCNQ1	chr11:2466220-2870340	11.3052	9.28288	-0.284338	0.714086
XLOC_000767	RXFP4	chr1:155911479-155912625	0.0480425	0.0394507	-0.28426	1
XLOC_012668	INHA	chr2:220436953-220440435	0.559914	0.459809	-0.28417	0.89785
XLOC_005708	HECTD4	chr12:112597991-112819896	0.796212	0.653925	-0.284028	0.667588
XLOC_008692	C16orf46	chr16:81087101-81110872	0.407707	0.33488	-0.283887	0.875956
XLOC_008980	CDK5R1	chr17:30814104-30818271	2.51454	2.06554	-0.283779	0.681951
XLOC_004685	TPI1	chr12:6976583-6982521	1065.69	875.422	-0.283735	0.599023
XLOC_003363	NAV2	chr11:19372270-20143147	5.83275	4.79162	-0.283662	0.61305
XLOC_001548	ORC1	chr1:52838500-52870143	3.74737	3.079	-0.283415	0.657199
XLOC_005095	IFT81	chr12:110562139-110656600	1.15826	0.951721	-0.283351	0.764456
XLOC_013247	HOXD-AS1	chr2:177037923-177055635	2.1627	1.77762	-0.282883	0.686715
XLOC_002458	AGAP6	chr10:51748077-51770259	4.01131	3.29718	-0.282841	0.66486
XLOC_000160	LDLRAD2	chr1:22138757-22263750	0.0198274	0.0162982	-0.282779	1
XLOC_018328	CDC5L	chr6:44355250-44418161	5.60045	4.60379	-0.282718	0.541428
XLOC_013947	NFS1	chr20:34256609-34288902	12.1407	9.98036	-0.282693	0.852179
XLOC_005251	CDCA3	chr12:6957971-6960456	24.1544	19.8568	-0.282652	0.59484
XLOC_001664	CNN3	chr1:95362506-95392735	71.5698	58.839	-0.282578	0.538721
XLOC_007474	CHRFAM7A	chr15:30653442-30685864	0.0380981	0.0313262	-0.282351	1
XLOC_006769	RALGAPA1	chr14:36007557-36278432	1.17057	0.962605	-0.282193	0.666074
XLOC_008257	OSGIN1	chr16:83986826-83999937	19.1358	15.7367	-0.282137	0.599775
XLOC_004698	CLSTN3	chr12:7282966-7311530	8.44087	6.94201	-0.282039	0.59582
XLOC_014217	ITGB2-AS1	chr21:46305867-46349595	0.0169548	0.013947	-0.281732	1
XLOC_008737	DBNDD1	chr16:90071278-90085937	37.0793	30.5036	-0.281637	0.539268
XLOC_016785	COX18	chr4:73920415-73935472	4.32621	3.55923	-0.281539	0.60545
XLOC_023827	ZNF674	chrX:46357159-46404892	0.520429	0.428175	-0.2815	0.78865
XLOC_000327	ZNF691	chr1:43312243-43318146	8.49122	6.98621	-0.281462	0.657683
XLOC_009235	CEP95	chr17:62503157-62534062	7.05152	5.80281	-0.281181	0.592657
XLOC_011089	ZNF701	chr19:53073525-53090427	0.16386	0.134852	-0.281084	1
XLOC_014228	DIP2A	chr21:47878861-47989926	3.78905	3.11861	-0.28093	0.691843
XLOC_018691	ZNF322	chr6:26634610-26659980	3.39068	2.79085	-0.28087	0.602936
XLOC_002496	HK1	chr10:71029755-71161637	75.7929	62.3879	-0.280797	0.535586
XLOC_001401	SRSF4	chr1:29474249-29508637	44.8614	36.9303	-0.280668	0.547145
XLOC_012389	PSD4	chr2:113931559-113960677	1.88245	1.54973	-0.280591	0.700954
XLOC_011442	ZNF433	chr19:12125531-12146525	1.51681	1.24878	-0.280528	0.765267
XLOC_002885	ZNF248	chr10:38065453-38147012	1.37322	1.13059	-0.280483	0.713886
XLOC_008557	C16orf87	chr16:46835958-46865074	3.14471	2.58926	-0.280385	0.747301
XLOC_003782	ARHGAP42	chr11:100558406-100861656	0.246136	0.202699	-0.280114	1
XLOC_009863	VEZF1	chr17:56048909-56065615	7.08292	5.83315	-0.280071	0.553823
XLOC_013726	FAM210B	chr20:54933982-54943718	22.9131	18.8717	-0.279954	0.53652
XLOC_001764	PDE4DIP	chr1:144851423-145076186	0.617978	0.509011	-0.27986	0.762574
XLOC_010830	C19orf33	chr19:38794199-38806606	322.19	265.384	-0.279831	0.73154

XLOC_011951	CDC42EP5	chr19:54976209-54984422	26.9854	22.2311	-0.279599	0.722053
XLOC_022423	SPIN1	chr9:91003296-91093622	9.22171	7.5984	-0.279339	0.552646
XLOC_007320	C15orf27	chr15:76352298-76497304	0.0255313	0.0210381	-0.279262	1
XLOC_011692	B3GNT8	chr19:41931263-41934635	0.0395236	0.0325684	-0.279241	1
XLOC_007947	MKL2	chr16:14165195-14360630	0.997498	0.822015	-0.27915	0.679691
XLOC_001797	OTUD7B	chr1:149912231-149982686	2.38561	1.9661	-0.279021	0.628907
XLOC_001354	HMGCL	chr1:24128366-24151949	41.9967	34.6158	-0.278843	0.539395
XLOC_011305	TLE2	chr19:2997635-3047633	34.835	28.7138	-0.278793	0.5612
XLOC_011968	IL11	chr19:55875749-55881831	12.1127	9.98458	-0.278749	0.604499
XLOC_007664	UACA	chr15:70946892-71055850	1.04127	0.85845	-0.278541	0.685742
XLOC_012846	IFT172	chr2:27665232-27712571	2.35199	1.93933	-0.278326	0.65387
XLOC_013346	BARD1	chr2:215593274-215674428	0.225951	0.186312	-0.278295	1
XLOC_006823	DLGAP5	chr14:55614833-55658396	7.23644	5.96728	-0.278206	0.587374
XLOC_021267	IMMP2L	chr7:110303105-111202573	12.4113	10.235	-0.278145	0.635021
XLOC_014567	APOBEC3H	chr22:39493228-39500072	0.0545052	0.04495	-0.278073	1
XLOC_014503	SEC14L2	chr22:30792929-30821291	8.92178	7.35857	-0.277905	0.578315
XLOC_010966	CCDC9	chr19:47759730-47775210	6.6141	5.45559	-0.277811	0.681816
XLOC_011551	TSSK6	chr19:19625027-19626469	1.35588	1.11842	-0.277777	0.881798
XLOC_009006	DHRS11	chr17:34948225-34957233	12.1463	10.0197	-0.27768	0.643442
XLOC_009832	ZNF652	chr17:47366567-47439835	0.971174	0.801145	-0.277667	0.648214
XLOC_019032	ZBTB24	chr6:109783718-109804440	3.7192	3.06811	-0.27764	0.817472
XLOC_004011	HBG2	chr11:5274420-5276011	0.864055	0.712801	-0.277622	0.906898
XLOC_006375	ARID4A	chr14:58765221-58840451	0.606858	0.500637	-0.277594	0.746288
XLOC_008249	CMIP	chr16:81478774-81745367	9.24993	7.63113	-0.277545	0.581347
XLOC_012657	FAM134A	chr2:220042938-220050197	28.1663	23.2389	-0.277429	0.553492
XLOC_002203	TP53BP2	chr1:223967594-224033674	10.939	9.02636	-0.277272	0.54699
XLOC_021558	HTRA4	chr8:38831667-38846181	0.0112181	0.00925715	-0.277192	1
XLOC_001714	FAM212B	chr1:112264685-112310199	1.03938	0.857728	-0.277133	0.897804
XLOC_010295	FAM210A	chr18:13663345-13726591	6.96965	5.75174	-0.277088	0.568192
XLOC_004797	BICD1	chr12:32260184-32531141	0.349093	0.2881	-0.27704	1
XLOC_018929	GSTA4	chr6:52842745-52860178	12.9421	10.681	-0.277034	0.635495
XLOC_022527	TRIM32	chr9:119187503-120177317	8.58799	7.08787	-0.276969	0.622746
XLOC_014361	LRRRC3-AS1	chr21:45870868-45875167	0.0375077	0.0309566	-0.276938	1
XLOC_005574	MDM1	chr12:68688345-68726161	2.54598	2.10135	-0.276904	0.7048
XLOC_019064	C6orf170	chr6:121400626-121655644	0.298053	0.24604	-0.276675	1
XLOC_018330	RUNX2	chr6:44794466-45518819	1.84876	1.52619	-0.276619	0.823485
XLOC_004340	RIN1	chr11:66099541-66104000	52.1914	43.0874	-0.276545	0.560215
XLOC_011388	ZNF414	chr19:8575461-8579048	11.3901	9.40379	-0.276467	0.734384
XLOC_014576	LOC100130899	chr22:40428335-40432581	5.05257	4.17149	-0.276455	0.6172
XLOC_009457	CLDN7	chr17:7155371-7166512	0.179676	0.14835	-0.276393	1
XLOC_010055	FASN	chr17:80036213-80056106	37.7467	31.1659	-0.276384	0.553492
XLOC_003625	KAT5	chr11:65479472-65488409	11.3969	9.41024	-0.276342	0.840937
XLOC_003123	CALHM3	chr10:105232560-105238997	0.0170049	0.0140452	-0.27587	1
XLOC_000198	FAM110D	chr1:26485510-26489119	0.82873	0.68451	-0.275831	0.900639
XLOC_005086	UNG	chr12:109535398-109548798	31.3491	25.8941	-0.275798	0.577506
XLOC_005688	MMAB	chr12:109991520-110011358	6.1958	5.11846	-0.27558	0.592657
XLOC_004137	FBXO3	chr11:33762489-33796071	6.86145	5.66886	-0.275455	0.627868
XLOC_000062	PER3	chr1:7844762-7905237	0.223772	0.184888	-0.275378	1
XLOC_013764	SLCO4A1	chr20:61273796-61303647	31.4844	26.0161	-0.275231	0.567745

XLOC_018029	BPHL	chr6:3118925-3153432	19.5627	16.1677	-0.274996	0.60545
XLOC_004092	PIK3C2A	chr11:17108123-17191354	2.89262	2.39104	-0.274739	0.588875
XLOC_013691	SNX21	chr20:44462469-44486048	10.3007	8.51485	-0.274689	0.696867
XLOC_017146	ZSWIM6	chr5:60628099-60841999	2.28988	1.89302	-0.274583	0.674009
XLOC_006316	ARHGAP5	chr14:32546494-32628934	2.53661	2.09706	-0.274529	0.584417
XLOC_014258	N6AMT1	chr21:30244512-30257695	3.09326	2.55741	-0.274445	0.803409
XLOC_005842	B3GALTL	chr13:31774111-31906411	1.45831	1.20571	-0.27442	0.72151
XLOC_022413	LOC389765	chr9:88420916-88457794	0.652462	0.539472	-0.274346	0.854706
XLOC_007108	LOC646278	chr15:29034979-29101720	0.339707	0.280939	-0.27403	1
XLOC_010543	CLEC4GP1	chr19:7852369-7855898	0.0289094	0.0239085	-0.274016	1
XLOC_007410	RCCD1	chr15:91498105-91506355	10.0069	8.27637	-0.273919	0.610876
XLOC_011029	FCGRT	chr19:50015535-50029685	40.3006	33.3316	-0.273912	0.585996
XLOC_013743	NPEPL1,STX16	chr20:57226308-57290900	34.9864	28.9364	-0.273912	0.643713
XLOC_017296	PRRC1	chr5:126853308-126890780	7.09812	5.87087	-0.273863	0.576341
XLOC_019027	SNX3	chr6:108532716-108582464	135.967	112.464	-0.273793	0.556775
XLOC_019059	MCM9	chr6:119134611-119256327	1.10952	0.917762	-0.273741	0.895686
XLOC_014485	MIAT	chr22:27053445-27072440	0.0429746	0.0355482	-0.273709	1
XLOC_003011	ZNF503	chr10:77157602-77168740	8.96843	7.41928	-0.273576	0.678853
XLOC_007829	RAB40C	chr16:639356-679273	16.7246	13.8358	-0.273566	0.599981
XLOC_008819	CHRNA1	chr17:7348405-7360932	33.5133	27.7249	-0.273552	0.547473
XLOC_009947	SDK2	chr17:71330522-71640227	0.00182566	0.00151055	-0.273351	1
XLOC_017892	CSF1R	chr5:149432853-149492935	0.00460091	0.00380683	-0.273331	1
XLOC_009484	RPL26	chr17:8280833-8286565	6148.24	5087.15	-0.273316	0.612746
XLOC_023325	XK	chrX:37545132-37591383	0.564731	0.467378	-0.272974	0.795726
XLOC_009573	SPAG5	chr17:26904582-26926056	16.3172	13.5049	-0.272911	0.559892
XLOC_022246	FOXH1	chr8:145691737-145701718	10.3383	8.55701	-0.272818	0.823743
XLOC_005217	RAD52	chr12:1021254-1058863	3.28587	2.72005	-0.272642	0.703707
XLOC_013219	STK39	chr2:168810529-169104105	5.99051	4.95907	-0.27261	0.627743
XLOC_003717	RPS3	chr11:75110534-75133345	3278.41	2713.97	-0.272592	0.659814
XLOC_004817	H1FNT	chr12:48722762-48724062	0.0394453	0.0326557	-0.272518	1
XLOC_010188	SIGLEC15	chr18:43405544-43422521	0.026474	0.0219183	-0.272443	1
XLOC_005135	PXN-AS1	chr12:120639093-120703574	2.80752	2.32462	-0.272302	0.978996
XLOC_006980	CINP	chr14:102814618-102829253	27.4229	22.7064	-0.272228	0.624059
XLOC_014735	HPS4	chr22:26846848-26879829	6.38108	5.28408	-0.272149	0.606595
XLOC_009046	WIPF2	chr17:38375573-38438439	4.62864	3.83291	-0.272147	0.601902
XLOC_020596	C7orf63	chr7:89874487-89940377	0.807366	0.668592	-0.272098	0.782307
XLOC_014844	ST13	chr22:41220600-41252687	98.1661	81.3055	-0.271871	0.561661
XLOC_008003	RBBP6	chr16:24550907-24584183	7.562	6.26319	-0.271871	0.721793
XLOC_009882	TUBD1	chr17:57936840-57970306	1.67609	1.3883	-0.271781	0.785865
XLOC_001032	RCOR3	chr1:211432707-211489725	3.90664	3.23622	-0.271618	0.699335
XLOC_006160	KCTD12	chr13:77454303-77460540	1.95875	1.62278	-0.27147	0.674951
XLOC_002030	GAS5	chr1:173832385-173837125	1527.94	1266.01	-0.271298	0.578771
XLOC_007936	ATF7IP2	chr16:10479911-10577495	1.55527	1.28876	-0.271181	0.727839
XLOC_006653	C14orf180	chr14:105046055-105056183	0.0309756	0.0256677	-0.271178	1
XLOC_023620	HPRT1	chrX:133594174-133634698	76.4821	63.3886	-0.2709	0.559158
XLOC_015982	TFDP2	chr3:141663269-141868386	3.44811	2.85792	-0.270843	0.592657
XLOC_020985	HIBADH	chr7:27565058-27702620	14.2727	11.8299	-0.270817	0.608991
XLOC_002741	PSTK	chr10:124739555-124749907	3.10481	2.57456	-0.270176	0.775022
XLOC_000399	SCP2	chr1:53392900-53517289	35.6343	29.5488	-0.270164	0.587374

XLOC_021679	INTS8	chr8:95835517-95907482	15.3293	12.7125	-0.270043	0.642563
XLOC_022119	RNF19A	chr8:101269287-101322379	7.32849	6.07896	-0.269692	0.59187
XLOC_006710	HAUS4	chr14:23415436-23426351	41.9217	34.7777	-0.269535	0.570304
XLOC_014744	CHEK2	chr22:29083730-29137822	12.2268	10.1441	-0.269406	0.633194
XLOC_007769	POLG	chr15:89787193-89878026	14.8136	12.2911	-0.269313	0.731905
XLOC_006480	SPATA7	chr14:88851987-88904804	4.38752	3.64044	-0.269295	0.702162
XLOC_009753	COA3	chr17:40949635-40950743	54.913	45.5634	-0.26927	0.610478
XLOC_004832	PRPF40B	chr12:50017196-50101197	0.765551	0.635329	-0.268995	0.95717
XLOC_009093	ARL4D	chr17:41476352-41478504	0.018168	0.0150776	-0.268992	1
XLOC_012186	EML6	chr2:54952148-55199156	0.489031	0.405849	-0.268984	0.7704
XLOC_014942	BRK1	chr3:10157332-10168874	89.4753	74.278	-0.268554	0.558746
XLOC_010445	GPX4	chr19:1103935-1106787	386.366	320.743	-0.26855	0.568365
XLOC_022996	CTNNAL1	chr9:111704850-111775764	29.7081	24.6673	-0.268255	0.572905
XLOC_002148	NUCKS1	chr1:205681946-205719372	17.8269	14.8024	-0.268228	0.572512
XLOC_008069	BCKDK	chr16:31119614-31124112	127.256	105.673	-0.268125	0.591871
XLOC_010820	ZNF420	chr19:37569381-37620651	1.0787	0.895963	-0.267786	0.780762
XLOC_017627	LOC100506548	chr5:40825364-40829244	27.5121	22.8514	-0.26778	0.57751
XLOC_015300	MYLK-AS1	chr3:123304402-123603149	0.183033	0.152029	-0.267757	1
XLOC_019121	LOC100507489	chr6:143287558-143358719	0.111932	0.0929722	-0.26775	1
XLOC_009527	FLCN	chr17:17115526-17140502	17.181	14.2726	-0.267568	0.646705
XLOC_022882	FAM108B1	chr9:74477367-74526148	4.64389	3.85819	-0.267407	0.666451
XLOC_019095	ALDH8A1	chr6:135238527-135271260	0.150899	0.125372	-0.267363	1
XLOC_018046	LOC100130275	chr6:10396915-10419797	2.17293	1.80539	-0.267333	0.926169
XLOC_021251	PUS7	chr7:105096959-105162685	9.06301	7.53012	-0.267318	0.592657
XLOC_015311	CHCHD6	chr3:126423062-126679263	70.2195	58.3562	-0.266984	0.593786
XLOC_010599	ZNF833P	chr19:11784812-11797384	0.553085	0.459644	-0.266984	0.851628
XLOC_005002	SYT1	chr12:79257772-79845788	0.00787984	0.00654883	-0.26693	1
XLOC_008217	IL34	chr16:70613797-70694585	0.0129722	0.0107813	-0.266894	1
XLOC_013083	FHL2	chr2:105977282-106055230	393.011	326.635	-0.266892	0.581794
XLOC_012256	TLX2	chr2:74741595-74744275	0.0171045	0.0142171	-0.266748	1
XLOC_002206	WDR26	chr1:224572844-224622001	7.90642	6.57195	-0.266703	0.568843
XLOC_004335	EIF1AD	chr11:65764015-65771617	11.3129	9.40461	-0.266527	0.92367
XLOC_002126	LOC730227	chr1:203267885-203274453	0.0410223	0.0341047	-0.266439	1
XLOC_011895	CLDND2	chr19:51870351-51872257	0.337605	0.280683	-0.266395	1
XLOC_011071	ZNF175	chr19:52074530-52092991	1.57926	1.31348	-0.265861	0.727839
XLOC_008969	RAB11FIP4	chr17:29718641-29865232	3.97721	3.30823	-0.265695	0.663286
XLOC_018490	RNF146	chr6:127587826-127609705	6.43934	5.35702	-0.265482	0.664979
XLOC_016187	RGS12	chr4:3315873-3441640	1.94864	1.62153	-0.26511	0.739297
XLOC_008895	SMCR7	chr17:18163847-18169095	23.6975	19.7202	-0.265061	0.611649
XLOC_007839	MSLN	chr16:810764-818865	0.0330092	0.0274721	-0.264901	1
XLOC_009507	ZNF18	chr17:11880761-11900689	2.02639	1.68664	-0.26476	0.752349
XLOC_021712	OXR1	chr8:107282405-107764921	9.68013	8.05788	-0.264626	0.624761
XLOC_018063	JARID2	chr6:15246205-15522273	2.14988	1.78992	-0.264362	0.699166
XLOC_018595	FGFR1OP	chr6:167412815-167454066	7.00473	5.83209	-0.264316	0.664979
XLOC_014360	C21orf2	chr21:45748826-45759285	4.78037	3.98012	-0.264308	0.743519
XLOC_005238	CD27-AS1	chr12:6548166-6560884	4.29978	3.58	-0.264303	0.705198
XLOC_009479	LINC00324	chr17:8123947-8127361	0.831304	0.692194	-0.2642	0.864118
XLOC_018908	PTCHD4	chr6:47845763-48036425	0.155804	0.129734	-0.264172	1
XLOC_001295	FAM131C	chr1:16384263-16400127	26.2527	21.8659	-0.263784	0.626629

XLOC_007736	AGSK1,LOC7278	chr15:82753446-82798352	0.24826	0.20678	-0.263756	1
XLOC_014677	C22orf39	chr22:19428409-19435755	13.2516	11.0377	-0.263731	0.650967
XLOC_022403	CEP78	chr9:80850990-80881983	3.93111	3.2747	-0.263572	0.699342
XLOC_002645	FAM178A	chr10:102672325-102724891	3.58295	2.98469	-0.263568	0.879418
XLOC_013903	NANP	chr20:25593572-25604648	2.685	2.23669	-0.263558	0.689772
XLOC_014456	MMP11	chr22:24115035-24126503	8.41448	7.01028	-0.263402	0.688092
XLOC_023065	DENND1A	chr9:126141932-126692417	13.974	11.6423	-0.263371	0.633819
XLOC_011916	ZNF836	chr19:52658124-52674896	1.48323	1.23575	-0.263354	0.748812
XLOC_007890	SRRM2	chr16:2787076-2821413	39.6715	33.053	-0.263321	0.583757
XLOC_013631	EPB41L1	chr20:34679425-34820721	4.67343	3.89385	-0.263283	0.62495
XLOC_004795	METTL20	chr12:31800093-31822016	0.455309	0.379361	-0.263275	0.868076
XLOC_006826	KTN1-AS1	chr14:56042874-56046810	1.41425	1.17842	-0.26318	0.825529
XLOC_003954	CHID1	chr11:867858-915058	24.1503	20.1253	-0.263031	0.592657
XLOC_017477	RANBP17	chr5:170288895-170727019	0.515456	0.429652	-0.262681	0.814656
XLOC_023063	MIR600HG	chr9:125871772-125877756	0.896214	0.747108	-0.262526	0.769079
XLOC_006186	DZIP1	chr13:96085852-96296960	0.00531744	0.00443296	-0.262462	1
XLOC_013624	MMP24	chr20:33814538-33864804	5.26161	4.38643	-0.262458	0.664979
XLOC_011950	LENG9	chr19:54960064-54974894	16.0185	13.3543	-0.26244	0.837945
XLOC_000600	AKR7A2P1	chr1:113454469-113498975	0.0765023	0.0637938	-0.262085	1
XLOC_002903	MARCH8	chr10:45952816-46090354	0.818698	0.682718	-0.26204	0.844936
XLOC_009017	ARHGAP23	chr17:36584719-36668628	2.31115	1.92731	-0.262023	0.72856
XLOC_006057	KATNAL1	chr13:30776766-30881624	0.337215	0.281272	-0.261699	1
XLOC_007266	MAP2K5	chr15:67835020-68099455	13.1345	10.9563	-0.261593	0.640604
XLOC_014478	CRYBB2P1	chr22:25844053-25857645	20.8441	17.3877	-0.261577	0.61305
XLOC_019041	TRAF3IP2	chr6:111804674-111927477	4.51098	3.76301	-0.261553	0.662987
XLOC_000351	RPS8	chr1:45241245-45244412	6033.65	5033.28	-0.261532	0.642802
XLOC_010771	ZNF181	chr19:35225479-35233774	2.08149	1.73645	-0.261472	0.71967
XLOC_014459	MIF	chr22:24235896-24241117	3557.14	2967.83	-0.261311	0.619611
XLOC_000195	MTFR1L	chr1:26146396-26159433	23.22	19.3732	-0.261306	0.608864
XLOC_001121	LGALS8	chr1:236681513-236767841	7.66955	6.39964	-0.261151	0.77849
XLOC_020748	AHCYL2	chr7:128864854-129070052	2.44532	2.04053	-0.261081	0.674827
XLOC_011957	TNNT1	chr19:55644160-55660606	156.368	130.498	-0.260918	0.584417
XLOC_002592	BTA1F1	chr10:93683735-93790080	3.42408	2.85762	-0.260901	0.622185
XLOC_009365	VPS53	chr17:411907-618096	3.24097	2.70523	-0.260675	0.600595
XLOC_010759	CEBPA-AS1	chr19:33793762-33795963	3.24985	2.71291	-0.26053	0.779868
XLOC_002525	KAT6B	chr10:76586170-76792380	1.2067	1.00739	-0.26044	0.712072
XLOC_008779	PLD2	chr17:4710395-4726727	11.0132	9.19453	-0.260385	0.618187
XLOC_010853	DLL3	chr19:39989556-39999121	0.0215091	0.0179594	-0.260203	1
XLOC_015557	SRGAP3	chr3:9022275-9291369	0.0212508	0.0177446	-0.260142	1
XLOC_018533	PEX3	chr6:143771917-143811751	8.67861	7.24671	-0.260138	0.63426
XLOC_016395	FRAS1	chr4:78978723-79465423	0.908262	0.758415	-0.260121	0.667772
XLOC_015839	CPOX	chr3:98298289-98312455	13.2082	11.0292	-0.26011	0.612808
XLOC_022170	LOC100130231	chr8:126934766-126963441	0.00355845	0.0029714	-0.260106	1
XLOC_001810	SEMA6C	chr1:151104162-151119140	2.4806	2.07142	-0.26007	0.758273
XLOC_000007	KLHL17	chr1:895966-901099	17.195	14.3588	-0.260052	0.646705
XLOC_013922	C20orf112	chr20:31030861-31172875	1.31908	1.10151	-0.260041	0.739517
XLOC_012100	TRIM54	chr2:27505296-27531130	0.0114549	0.00956731	-0.25978	1
XLOC_003125	OBFC1	chr10:105637317-105678045	2.48001	2.07161	-0.259593	0.659662
XLOC_018429	PRDM1	chr6:106534194-106557814	0.200881	0.167803	-0.259573	1

XLOC_000067	H6PD	chr1:9294862-9331394	3.58417	2.99408	-0.259528	0.638482
XLOC_018476	PKIB	chr6:122793061-123047518	0.0834888	0.0697528	-0.259332	1
XLOC_012689	SP100	chr2:231280870-231410317	17.3243	14.4752	-0.259215	0.691019
XLOC_005673	MTERFD3	chr12:107371068-107380944	3.40905	2.84857	-0.259134	0.736305
XLOC_000052	KCNAB2	chr1:5922869-6161253	35.7811	29.899	-0.2591	0.622503
XLOC_012872	PRKD3	chr2:37477645-37544222	2.2349	1.86789	-0.258801	0.667772
XLOC_007671	PARP6	chr15:72533521-72563628	6.9939	5.84626	-0.258582	0.65387
XLOC_016679	FBXL5	chr4:15606006-15657035	8.54368	7.14211	-0.258506	0.617993
XLOC_003948	DEAF1	chr11:644224-705028	40.19	33.5971	-0.258502	0.667022
XLOC_015093	ZNF589	chr3:48282595-48312479	4.63629	3.87575	-0.258496	0.67663
XLOC_005094	ANKRD13A	chr12:110437234-110477235	29.5831	24.7306	-0.25848	0.588874
XLOC_004844	ATF1	chr12:51157788-51214943	6.42404	5.37065	-0.258385	0.651207
XLOC_007838	HAGHL	chr16:777265-779715	88.0324	73.5998	-0.258332	0.607733
XLOC_010329	ZSCAN30	chr18:32820993-32870196	1.55693	1.30172	-0.258285	0.837434
XLOC_020699	ZNF277	chr7:111846642-111983989	11.7494	9.82375	-0.258246	0.61138
XLOC_008463	LOC100271836	chr16:21458003-21513602	0.0751614	0.0628446	-0.258203	1
XLOC_010946	LOC100287177	chr19:46112657-46148775	25.2026	21.0735	-0.258139	0.849964
XLOC_006842	SIX4	chr14:61176255-61190852	1.96557	1.64378	-0.257929	0.684702
XLOC_009461	PLSCR3,TMEM25	chr17:7284292-7307450	268.918	224.906	-0.257846	0.762043
XLOC_010797	MLL4	chr19:36208920-36229779	5.93121	4.96056	-0.257823	0.616881
XLOC_007151	C15orf62	chr15:41060066-41106767	0.284545	0.237981	-0.257812	1
XLOC_005866	NAA16	chr13:41885340-41951166	2.6454	2.21251	-0.257798	0.706316
XLOC_004959	MON2	chr12:62860596-62991363	1.07982	0.903133	-0.257785	0.688092
XLOC_009798	ARL17A	chr17:44590075-44657088	0.283992	0.237548	-0.257631	1
XLOC_018316	POLH	chr6:43543877-43596936	2.03624	1.70341	-0.257484	0.934861
XLOC_000751	EFNA4	chr1:155006281-155042029	29.6618	24.8141	-0.257449	0.933717
XLOC_012362	GCC2	chr2:109065576-109125854	0.755998	0.632472	-0.25738	0.751958
XLOC_017341	KIF20A	chr5:137514416-137549032	6.19708	5.18496	-0.257254	0.84361
XLOC_012368	RGPD5,RGPD6	chr2:110550334-110615282	0.00250577	0.00209682	-0.257056	1
XLOC_024037	RPL39	chrX:118920468-118925606	9303.56	7785.42	-0.257008	0.633194
XLOC_006882	ZFYVE1	chr14:73436158-73493920	7.10095	5.94278	-0.256874	0.692155
XLOC_020744	TP1P2	chr7:128695276-128697293	0.177796	0.148814	-0.256715	1
XLOC_018664	GPLD1	chr6:24426061-24489850	0.348358	0.291586	-0.256665	1
XLOC_006364	LGALS3	chr14:55595934-55612148	54.9309	45.9799	-0.256617	0.610681
XLOC_012202	EHBP1	chr2:62900985-63275656	2.52147	2.1106	-0.256613	0.678167
XLOC_008787	USP6	chr17:5031686-5078324	0.188682	0.157943	-0.256554	1
XLOC_018499	ENPP1	chr6:132129155-132216295	0.742451	0.621545	-0.256437	0.757708
XLOC_017483	ERGIC1	chr5:172261222-172379688	87.491	73.2438	-0.256428	0.605515
XLOC_008723	RNF166	chr16:88762902-88772829	16.8725	14.128	-0.256113	0.687955
XLOC_023439	ZC3H12B	chrX:64708614-64727767	0.2647	0.221652	-0.256067	1
XLOC_002108	PHLDA3	chr1:201434606-201438299	96.1768	80.5437	-0.255919	0.6084
XLOC_017185	FCHO2	chr5:72251807-72386349	1.83238	1.53467	-0.255797	0.71124
XLOC_006302	NOP9	chr14:24769097-24774374	2.41373	2.02171	-0.255683	0.796907
XLOC_006100	TSC22D1	chr13:45006278-45154568	15.8693	13.2922	-0.255662	0.612247
XLOC_022390	SMC5	chr9:72873877-72969789	3.28118	2.74841	-0.255617	0.64267
XLOC_015007	PDCD6IP	chr3:33840062-33911199	17.2422	14.4443	-0.255439	0.598397
XLOC_005669	NUAK1	chr12:106457124-106533811	1.15156	0.9649	-0.255133	0.753783
XLOC_008041	TMEM219	chr16:29973350-29984373	109.62	91.8527	-0.255115	0.59561
XLOC_008677	WDR59	chr16:74907470-75019017	13.3007	11.1452	-0.255088	0.619985

XLOC_000636	HFE2	chr1:145413190-145417545	0.0151051	0.0126577	-0.25502	1
XLOC_016580	CEP44	chr4:175157809-175254531	1.8321	1.53526	-0.255017	0.840828
XLOC_016073	GNB4	chr3:179113875-179169371	0.0810762	0.0679471	-0.254866	1
XLOC_010952	CCDC61	chr19:46498718-46521874	7.70455	6.45694	-0.254859	0.754837
XLOC_009324	GAA	chr17:78075354-78093679	59.6032	49.9549	-0.254765	0.611201
XLOC_005128	SUDS3	chr12:118814357-118855840	6.41607	5.37758	-0.254732	0.629512
XLOC_006827	LINC00520	chr14:56247852-56263392	0.251241	0.210589	-0.254642	1
XLOC_004655	TULP3	chr12:3000032-3050306	9.05402	7.5897	-0.254516	0.640772
XLOC_016736	FRYL	chr4:48499379-48782316	1.17599	0.985907	-0.25435	0.679452
XLOC_016450	TET2	chr4:106067031-106200960	0.573322	0.480731	-0.254117	0.751881
XLOC_000926	LAMC1	chr1:182992594-183114727	10.2157	8.56618	-0.254065	0.605249
XLOC_004020	TRIM5	chr11:5684424-5706339	1.86782	1.56636	-0.253943	0.776418
XLOC_009237	PRKCA	chr17:64298925-64806862	0.946078	0.793415	-0.253884	0.736417
XLOC_009656	SNORA21	chr17:37006320-37010053	40.6919	34.1261	-0.253868	0.978818
XLOC_006780	SEC23A	chr14:39501122-39572437	4.17117	3.4983	-0.253799	0.66979
XLOC_010302	ESCO1	chr18:19109261-19180693	1.99337	1.67185	-0.253764	0.715755
XLOC_019018	PREP	chr6:105725441-105850999	14.6917	12.3224	-0.253716	0.624445
XLOC_018144	ZKSCAN3	chr6:28317690-28336954	1.05937	0.888574	-0.25365	0.782475
XLOC_009619	SLFN13	chr17:33762114-33775856	0.00219635	0.00184224	-0.253642	1
XLOC_022325	GALT	chr9:34646585-34650595	13.0488	10.9454	-0.253601	0.695161
XLOC_001623	CTBS	chr1:85018803-85040163	3.9769	3.33587	-0.253581	0.696339
XLOC_022138	EIF3E	chr8:109213971-109260959	786.296	659.56	-0.253569	0.639952
XLOC_011544	SUGP2	chr19:19101696-19144380	7.29896	6.12275	-0.25351	0.640496
XLOC_009087	RPL27	chr17:41150445-41154971	5333.27	4474.08	-0.253431	0.642563
XLOC_023518	HNRNP28L	chrX:100645877-100669128	1762.98	1479.01	-0.253387	0.638761
XLOC_011626	ZNF461	chr19:37128282-37157739	0.363447	0.304918	-0.253323	1
XLOC_015138	PHF7	chr3:52444526-52457657	1.46674	1.23072	-0.253114	0.822512
XLOC_020605	MGC16142	chr7:92167788-92169079	1.1409	0.957427	-0.252932	0.862836
XLOC_018384	MYO6	chr6:76458908-76629254	2.01808	1.69364	-0.252863	0.656414
XLOC_007486	KATNBL1	chr15:34432874-34502297	7.27659	6.10703	-0.252791	0.642777
XLOC_012325	INPP4A	chr2:99061320-99207496	2.29045	1.9224	-0.252724	0.686965
XLOC_023974	NOX1	chrX:100098312-100129334	0.0389006	0.0326499	-0.252713	1
XLOC_011558	ZNF506	chr19:19903519-19932560	2.13683	1.79349	-0.252697	0.734343
XLOC_012942	SERTAD2	chr2:64858754-64881046	5.90295	4.95575	-0.252333	0.637294
XLOC_015151	IL17RB	chr3:53880576-53899827	2.73251	2.29421	-0.252226	0.773721
XLOC_001578	JUN	chr1:59246462-59249785	152.301	127.881	-0.25213	0.633194
XLOC_007635	CLPX	chr15:65442783-65477563	11.6172	9.75601	-0.251898	0.639922
XLOC_022109	RPL30	chr8:99053937-99057818	7071.91	5939.11	-0.251854	0.660902
XLOC_007568	COPS2	chr15:49417470-49447854	17.7658	14.9202	-0.251835	0.608533
XLOC_009949	MGC16275	chr17:72206134-72209460	2.59522	2.17998	-0.251537	0.76721
XLOC_022594	LOC100506100	chr9:131486740-131534213	6.44203	5.41133	-0.251532	0.975454
XLOC_005556	LOC100506844	chr12:58325231-58329947	15.9466	13.3957	-0.251483	0.727236
XLOC_001627	MCOLN2	chr1:85391265-85462796	6.42523	5.3975	-0.251459	0.660035
XLOC_014724	GSTT1	chr22:24376138-24384284	52.4595	44.0688	-0.251447	0.631444
XLOC_014219	ADARB1	chr21:46494492-46646478	3.79152	3.1851	-0.251438	0.714064
XLOC_021423	ESYT2	chr7:158523688-158622319	7.49777	6.2987	-0.251408	0.619985
XLOC_001700	LOC440600	chr1:110828998-110881793	0.0932312	0.078323	-0.251377	1
XLOC_018654	ATXN1	chr6:16299342-16761721	0.290773	0.244294	-0.251273	1
XLOC_021435	MCPH1	chr8:6264112-6501140	3.14669	2.64406	-0.251081	0.726122

XLOC_020843	SSPO	chr7:149473130-149531053	0.0206077	0.0173165	-0.251035	1
XLOC_018967	PHIP	chr6:79644135-79788011	2.07162	1.74083	-0.250991	0.646705
XLOC_004483	TRPC6	chr11:101322294-101454659	0.00433477	0.00364291	-0.250867	1
XLOC_007571	ATP8B4	chr15:50150434-50411419	0.0282542	0.0237447	-0.25086	1
XLOC_005668	APPL2	chr12:105567074-105630008	4.90537	4.12259	-0.25081	0.687345
XLOC_019101	MAP7	chr6:136663418-136871957	5.59489	4.70263	-0.250641	0.65482
XLOC_008210	CLEC18C	chr16:70207927-70220798	0.0111547	0.00937671	-0.2505	1
XLOC_014985	RPL15	chr3:23933571-23965187	1297.42	1090.62	-0.25049	0.657199
XLOC_004913	TMEM198B	chr12:56211805-56236767	2.35404	1.97888	-0.250451	0.950837
XLOC_001896	RIT1	chr1:155867598-155881193	5.52885	4.64779	-0.250434	0.667129
XLOC_001995	TADA1	chr1:166825748-166845654	7.17829	6.03465	-0.250369	0.681867
XLOC_000611	MAB21L3	chr1:116654375-116677861	0.111846	0.0940276	-0.250359	1
XLOC_001492	FOXJ3	chr1:42642209-42801548	8.53048	7.17214	-0.250225	0.624761
XLOC_022720	KIAA2026	chr9:5919007-6008003	0.585637	0.492404	-0.250163	0.783744
XLOC_018358	FAM83B	chr6:54711568-54809897	0.00280053	0.0023547	-0.25016	1
XLOC_017696	ENC1	chr5:73923230-73937249	14.8798	12.5112	-0.250137	0.631444
XLOC_020751	NRF1	chr7:129251554-129396922	3.50207	2.94461	-0.250131	0.774876
XLOC_002316	WDR37	chr10:1102775-1178237	6.00842	5.052	-0.25013	0.647649
XLOC_002025	TNFSF4	chr1:173152869-173176471	0.0566506	0.0476358	-0.250045	1
XLOC_003112	PSD	chr10:104162373-104182893	1.06281	0.893764	-0.249912	0.954535
XLOC_011743	ZNF180	chr19:44979858-45004574	2.475	2.08137	-0.249893	0.736853
XLOC_014552	EIF3L	chr22:38245378-38284789	283.375	238.312	-0.249858	0.614106
XLOC_007489	LPCAT4	chr15:34651088-34659395	29.9562	25.1933	-0.249816	0.643053
XLOC_012797	NBAS	chr2:15307031-15701472	7.29236	6.13314	-0.249761	0.613009
XLOC_020614	ASB4	chr7:95115212-95169543	0.0047159	0.0039663	-0.249739	1
XLOC_001630	C1orf52	chr1:85715636-85725355	17.4255	14.6557	-0.249733	0.612746
XLOC_015736	NPRL2	chr3:50384918-50391496	18.847	15.8523	-0.24964	0.844766
XLOC_013377	TUBA4A	chr2:220110191-220136910	80.4447	67.6744	-0.249388	0.700874
XLOC_002138	TMEM81	chr1:205052256-205053588	2.42073	2.03654	-0.249318	0.821371
XLOC_021255	NAMPT	chr7:105888731-105925638	20.5696	17.306	-0.249241	0.605515
XLOC_021238	FBXL13	chr7:102453307-102715288	0.118304	0.0995381	-0.249181	1
XLOC_022212	LOC100133669	chr8:144063447-144099807	0.0355015	0.029874	-0.248992	1
XLOC_001881	LOC100505666	chr1:155006281-155042029	0.90968	0.765529	-0.248902	0.975492
XLOC_015710	CCDC71	chr3:49199967-49203785	16.1819	13.6177	-0.248896	0.675713
XLOC_018574	GTF2H5	chr6:158589378-158620376	3.92437	3.30264	-0.24884	0.642898
XLOC_006758	DTD2	chr14:31915242-31926680	5.14029	4.32627	-0.248724	0.695914
XLOC_013896	GGTLC1	chr20:23965689-23969416	0.181548	0.152843	-0.248306	1
XLOC_022438	FGD3	chr9:95709600-95798518	3.90141	3.28464	-0.24826	0.727856
XLOC_011939	LENG1	chr19:54641435-54663446	12.051	10.1465	-0.248174	0.906934
XLOC_019040	REV3L	chr6:111620233-111804414	0.607517	0.511515	-0.248148	0.756518
XLOC_004652	ITFG2	chr12:2921786-2934237	3.72672	3.13802	-0.248054	0.743519
XLOC_013946	CPNE1,RBM12	chr20:34213952-34252878	92.4336	77.8321	-0.248052	0.704283
XLOC_000391	OSBPL9	chr1:52082545-52344609	14.7224	12.397	-0.24802	0.845153
XLOC_002289	ZNF124	chr1:247285276-247335318	2.56963	2.16384	-0.247965	0.79479
XLOC_006386	SLC38A6	chr14:61447831-61550451	4.07208	3.42913	-0.24792	0.769085
XLOC_001335	HP1BP3	chr1:21069170-21113181	26.9888	22.73	-0.247764	0.612746
XLOC_008404	PPL	chr16:4932507-4987136	0.0179846	0.0151471	-0.247723	1
XLOC_000459	TYW3	chr1:751711171-75232360	10.593	8.92258	-0.247575	0.752311
XLOC_018244	SYNGAP1	chr6:33387846-33421466	3.52692	2.97084	-0.24754	0.732699

XLOC_000280	AGO4	chr1:36273827-36323490	1.79338	1.51079	-0.24738	0.70045
XLOC_007799	LINS	chr15:101109427-101142445	2.12706	1.792	-0.247294	0.780035
XLOC_002783	DIP2C	chr10:320129-735608	2.21696	1.86779	-0.247244	0.693923
XLOC_017695	ANKRA2	chr5:72848024-72861511	2.84404	2.39626	-0.247159	0.76721
XLOC_008780	MINK1	chr17:4736634-4806369	19.5217	16.4497	-0.247016	0.656753
XLOC_014871	TTL1	chr22:43435522-43485434	3.22408	2.71686	-0.246944	0.7898
XLOC_008806	ACADVL	chr17:7093209-7128586	144.671	121.918	-0.24686	0.669949
XLOC_015548	CRBN	chr3:3191316-3221401	6.6689	5.62107	-0.246603	0.672291
XLOC_002337	ITIH2	chr10:7745235-7791483	0.024452	0.0206101	-0.246603	1
XLOC_000602	MAGI3	chr1:113933474-114228545	0.361447	0.30466	-0.246583	1
XLOC_012757	D2HGDH	chr2:242674029-242708231	9.64981	8.13388	-0.246557	0.703945
XLOC_015874	WDR52	chr3:112931374-113160361	0.222966	0.187979	-0.246247	1
XLOC_006346	ATP5S	chr14:50779046-50792946	6.08302	5.12867	-0.246203	0.749866
XLOC_011068	IGLON5	chr19:51815101-51834102	0.0347942	0.0293407	-0.245944	1
XLOC_009978	TRIM65	chr17:73885040-73893084	16.4263	13.8527	-0.245843	0.642611
XLOC_001757	PPIAL4G	chr1:143767143-143767881	0.195273	0.164681	-0.24582	1
XLOC_010273	LPIN2	chr18:2916991-3011945	4.58363	3.86565	-0.245779	0.663419
XLOC_017646	EMB	chr5:49692030-49737234	2.13113	1.79747	-0.245651	0.736305
XLOC_009202	YPEL2	chr17:57409052-57479095	1.17769	0.993347	-0.245588	0.776697
XLOC_004514	C11orf65	chr11:108253726-108338258	0.549975	0.463896	-0.245567	0.905839
XLOC_001266	FBXO2	chr1:11708417-11723384	2.18185	1.84045	-0.245494	0.965252
XLOC_021619	ADHFE1	chr8:67344717-67381044	0.369721	0.311886	-0.245419	1
XLOC_018083	ALDH5A1	chr6:24495196-24537435	3.84465	3.24327	-0.245402	0.687955
XLOC_020452	LOC646999	chr7:39649085-39651687	0.035479	0.0299299	-0.245375	1
XLOC_012005	ZNF329	chr19:58637694-58662148	3.20538	2.70435	-0.245214	0.709934
XLOC_005207	ZNF84	chr12:133613877-133639885	3.91284	3.30136	-0.245154	0.629465
XLOC_001514	TESK2	chr1:45794913-45956840	2.30454	1.94454	-0.245047	0.920464
XLOC_011356	SLC25A23	chr19:6440074-6459781	34.4834	29.0969	-0.245034	0.612746
XLOC_020365	ZNF853	chr7:6655526-6663921	0.116821	0.0985784	-0.244955	1
XLOC_018538	UTRN	chr6:144612872-145174170	0.986591	0.832587	-0.244851	0.699464
XLOC_015740	CISH	chr3:50643884-50649262	2.50426	2.11349	-0.244758	0.802621
XLOC_000656	NBPF16	chr1:148739441-148758311	4.6965	3.96374	-0.244722	0.678167
XLOC_006799	METTTL21D	chr14:50575349-50583297	4.83763	4.08285	-0.244721	0.752397
XLOC_006315	NUBPL	chr14:32030590-32330429	1.76728	1.49164	-0.244636	0.774237
XLOC_010931	APOC1	chr19:45417920-45422606	11.7258	9.89742	-0.244561	0.824898
XLOC_022819	ARHGEF39	chr9:35658286-35665278	7.04244	5.94451	-0.244518	0.742612
XLOC_016539	FHDC1	chr4:153864134-153900848	0.3722	0.31419	-0.244443	0.840433
XLOC_006460	GPATCH2L	chr14:76618258-76669134	1.40893	1.18966	-0.244056	0.810757
XLOC_013538	DSTN	chr20:17550598-17588652	63.6184	53.7198	-0.24399	0.626566
XLOC_006440	PTGR2	chr14:74318533-74352168	2.45061	2.06942	-0.243918	0.765218
XLOC_023956	TAF9B	chrX:77385244-77395179	8.43736	7.12562	-0.243777	0.665195
XLOC_004627	NFRKB	chr11:129733669-129765490	5.09677	4.30494	-0.243589	0.674529
XLOC_018656	KIF13A	chr6:17759413-17987854	1.47468	1.24563	-0.243523	0.830017
XLOC_018537	STX11	chr6:144471653-144513076	0.197329	0.166699	-0.243363	1
XLOC_018393	RWDD2A	chr6:83777384-83906256	3.73904	3.15876	-0.243309	0.939068
XLOC_004296	RCOR2	chr11:63678692-63684316	12.8008	10.8147	-0.243238	0.678939
XLOC_008494	RABEP2	chr16:28889808-28936532	22.7801	19.2458	-0.243237	0.699749
XLOC_023613	FAM45B	chrX:129628914-129631421	0.0528898	0.0446871	-0.243129	1
XLOC_001248	ERRF1	chr1:8071778-8086393	64.4901	54.494	-0.242982	0.663395

XLOC_016805	SCARB2	chr4:77079891-77135052	22.5404	19.0466	-0.24298	0.629512
XLOC_021210	PMS2P1	chr7:99905324-99965454	11.3667	9.60517	-0.242928	0.913931
XLOC_010674	ANKLE1	chr19:17392453-17398454	0.61943	0.52345	-0.24289	0.867824
XLOC_011022	RPL13A	chr19:49990810-49995564	10477.2	8854.39	-0.242793	0.755233
XLOC_014353	SIK1	chr21:44834397-44847002	12.6304	10.6743	-0.242757	0.639922
XLOC_003447	PTPRJ	chr11:48002109-48192394	3.89789	3.29422	-0.242755	0.720534
XLOC_003725	TSKU	chr11:76493356-76509198	16.0726	13.5843	-0.242664	0.659108
XLOC_001570	USP24	chr1:55532031-55681039	3.26645	2.7611	-0.242483	0.643713
XLOC_009760	LOC100130581	chr17:41447212-41466266	0.64963	0.549181	-0.242336	0.86523
XLOC_011977	ZNF784	chr19:56132106-56135941	8.5123	7.1962	-0.242313	0.737313
XLOC_020763	LRGUK	chr7:133812104-133948933	0.189191	0.159942	-0.242296	1
XLOC_020464	SPDYE1	chr7:43966034-44058748	0.0966479	0.0817123	-0.242186	1
XLOC_008104	FTO	chr16:53737874-54148379	2.03374	1.71955	-0.242105	0.738519
XLOC_019203	DLL1	chr6:170591293-170599697	6.25434	5.28923	-0.241801	0.722516
XLOC_009208	RPS6KB1	chr17:57970406-58027786	2.94189	2.48795	-0.241788	0.689267
XLOC_007167	GANC	chr15:42566365-42645864	0.529308	0.447634	-0.241786	0.847872
XLOC_015708	LAMB2	chr3:49158546-49170599	13.8379	11.7034	-0.241696	0.648844
XLOC_012809	PUM2	chr2:20448452-20527144	12.6084	10.6639	-0.241647	0.629512
XLOC_011673	ZNF780A	chr19:40575058-40596845	1.56662	1.32505	-0.2416	0.806525
XLOC_009641	SYNRG	chr17:35874899-35969486	3.16388	2.67615	-0.241533	0.665141
XLOC_018610	HUS1B	chr6:485137-693141	0.778607	0.658605	-0.241483	0.910997
XLOC_014000	ACOT8	chr20:44462469-44486048	18.7993	15.9031	-0.241375	0.845215
XLOC_018263	MAPK14	chr6:35995453-36079013	9.80711	8.29651	-0.241323	0.647731
XLOC_017737	LYSMD3	chr5:89811444-89825401	1.88273	1.59281	-0.241245	0.740831
XLOC_022084	TMEM64	chr8:91634222-91658133	6.2301	5.27078	-0.24124	0.65998
XLOC_006358	STYX	chr14:53196882-53241705	3.44211	2.91215	-0.24121	0.693923
XLOC_021185	BAIAP2L1	chr7:97910978-98030427	24.0975	20.3874	-0.241201	0.853245
XLOC_003952	PIDD	chr11:799178-805250	13.3289	11.2772	-0.241157	0.692563
XLOC_023437	FAAH2	chrX:57313109-57515629	0.745177	0.630484	-0.241124	0.865746
XLOC_013114	DDX11L2	chr2:114341229-114361294	0.628917	0.53216	-0.241008	0.962754
XLOC_011608	HSPB6	chr19:36245466-36247930	0.0718683	0.0608122	-0.240995	1
XLOC_022520	ORM1	chr9:117085302-117088759	0.0333732	0.0282401	-0.240946	1
XLOC_020354	SLC29A4	chr7:5322560-5343704	13.1898	11.1621	-0.240814	0.683545
XLOC_010843	PAK4	chr19:39616419-39670046	33.3442	28.2185	-0.240796	0.654583
XLOC_004815	PFKM	chr12:48436680-48540187	53.7785	45.5131	-0.240749	0.664806
XLOC_021403	SMARCD3	chr7:150936058-150974231	63.3598	53.6224	-0.240733	0.643266
XLOC_009608	MYO1D	chr17:30819627-31203902	3.18799	2.69828	-0.240605	0.705202
XLOC_001956	DCAF8	chr1:160185504-160232350	14.278	12.0856	-0.240502	0.666852
XLOC_012582	BZW1	chr2:201676268-201688569	72.0022	60.9486	-0.240447	0.638482
XLOC_021662	CPNE3	chr8:87526655-87573726	22.8556	19.3472	-0.240421	0.632073
XLOC_020405	SNX10	chr7:26331514-26413949	11.5781	9.80139	-0.240341	0.658942
XLOC_001897	KIAA0907	chr1:155882835-155904188	7.71098	6.52805	-0.240263	0.672486
XLOC_001021	CD46	chr1:207925382-207968861	9.34285	7.91	-0.240184	0.64889
XLOC_012313	ARID5A	chr2:97202463-97218371	9.81728	8.31235	-0.240066	0.715378
XLOC_008326	GNG13	chr16:838621-850733	0.0256606	0.0217292	-0.239919	1
XLOC_008501	SEZ6L2	chr16:29882479-29910585	27.1483	22.9904	-0.239831	0.652401
XLOC_017804	AFF4	chr5:132211070-132299354	3.25413	2.75617	-0.239607	0.659398
XLOC_000558	TMEM167B	chr1:109633402-109639554	7.86678	6.66314	-0.239572	0.677754
XLOC_012162	CAMKMT	chr2:44589042-44999731	3.12319	2.64534	-0.239566	0.800413

XLOC_006762	SPTSSA	chr14:34902143-34931468	12.4288	10.528	-0.239459	0.659662
XLOC_009652	PIP4K2B	chr17:36921943-36956158	6.94655	5.88444	-0.239391	0.653218
XLOC_023104	ZER1	chr9:131486740-131534213	32.1654	27.2486	-0.239329	0.650967
XLOC_004438	PRCP	chr11:82535408-82611557	35.4727	30.0506	-0.239319	0.633646
XLOC_021911	TNFRSF10D	chr8:22993100-23021543	32.7872	27.7764	-0.239273	0.628907
XLOC_014734	LRP5L	chr22:25747384-25777544	5.1654	4.3765	-0.239105	0.772699
XLOC_012938	WDPCP	chr2:63348534-63834330	0.458963	0.388976	-0.238698	0.975928
XLOC_017669	DEPDC1B	chr5:59892738-59995993	6.87259	5.825	-0.238594	0.699749
XLOC_002311	ZNF692	chr1:249144202-249153315	20.3587	17.2561	-0.238533	0.688092
XLOC_000071	PIK3CD	chr1:9711789-9884550	2.45266	2.07902	-0.238439	0.944348
XLOC_007268	PIAS1	chr15:68346571-68480404	3.79718	3.21889	-0.238365	0.756508
XLOC_017214	ZFYVE16	chr5:79703837-79775498	1.47324	1.24888	-0.238363	0.720882
XLOC_010705	KLHL26	chr19:18747837-18781302	5.77241	4.89337	-0.238345	0.749866
XLOC_006143	VPS36	chr13:52986736-53024763	4.65352	3.94494	-0.238322	0.675401
XLOC_002234	ABCB10	chr1:229652328-229694442	3.41143	2.89222	-0.238198	0.72912
XLOC_016554	TMEM144	chr4:159131400-159176439	7.63772	6.47547	-0.238157	0.667022
XLOC_001321	AKR7A2	chr1:19629201-19638640	38.2083	32.3945	-0.238138	0.643713
XLOC_004303	RASGRP2	chr11:64494382-64512928	0.683707	0.579675	-0.238134	0.885883
XLOC_003354	LOC494141	chr11:18230684-18235111	0.0101609	0.00861564	-0.238004	1
XLOC_001259	DFFA	chr1:10520602-10532613	18.2032	15.4351	-0.237978	0.684382
XLOC_015372	ACPL2	chr3:140950681-141013486	3.82938	3.24706	-0.237976	0.7154
XLOC_016329	SRP72	chr4:57333761-57369847	20.0191	16.9761	-0.237871	0.637594
XLOC_003337	PARVA	chr11:12399025-12556903	4.01961	3.40901	-0.237702	0.653926
XLOC_000017	SCNN1D	chr1:1215815-1227409	1.51973	1.28906	-0.23749	0.84864
XLOC_012509	DCAF17	chr2:172173912-172341562	1.96099	1.66336	-0.237476	0.861337
XLOC_001969	ARHGAP30	chr1:161016731-161039760	0.0771438	0.0654399	-0.23738	1
XLOC_011226	ZNF773	chr19:58011308-58019510	1.03421	0.877351	-0.237297	0.84703
XLOC_013175	ORC4	chr2:148602569-149271044	4.48577	3.80543	-0.237295	0.689784
XLOC_002160	YOD1	chr1:207217193-207226325	1.88817	1.6019	-0.237202	0.723759
XLOC_000466	MSH4	chr1:76262555-76378923	0.564651	0.479088	-0.237069	0.858806
XLOC_023381	CCDC22	chrX:49091926-49121288	19.2568	16.3401	-0.236959	0.685405
XLOC_016153	BDH1	chr3:197236653-197300194	22.1422	18.7904	-0.236804	0.642611
XLOC_002616	ZNF518A	chr10:97889471-97923517	1.2853	1.09076	-0.236764	0.726595
XLOC_011430	KANK2	chr19:11274942-11308243	2.25904	1.9172	-0.236709	0.764196
XLOC_004568	SLC37A4	chr11:118895060-118901616	24.8802	21.1184	-0.236496	0.679452
XLOC_001140	COX20	chr1:244998638-245010243	4.40357	3.7379	-0.236445	0.879418
XLOC_009113	ACBD4	chr17:43209966-43221543	9.45676	8.02771	-0.236357	0.73942
XLOC_000995	MDM4	chr1:204485506-204527248	4.03324	3.42384	-0.236322	0.654907
XLOC_003941	C11orf35	chr11:537521-560779	1.91601	1.62661	-0.23624	0.919354
XLOC_018265	BRPF3	chr6:36164549-36200567	4.3043	3.65446	-0.236117	0.694736
XLOC_022617	AIF1L	chr9:133971862-133998539	41.0203	34.828	-0.23609	0.647731
XLOC_017800	KIF3A	chr5:132028322-132073265	1.8949	1.60885	-0.236086	0.725228
XLOC_009465	SAT2	chr17:7494547-7536700	107.97	91.6806	-0.235944	0.843686
XLOC_012775	CMPK2	chr2:6980683-7006766	0.326695	0.277411	-0.235917	1
XLOC_011193	ZNF581	chr19:56154985-56156989	154.715	131.38	-0.235865	0.639922
XLOC_019013	ASCC3	chr6:100956607-101329224	3.83822	3.2598	-0.235654	0.703087
XLOC_004458	CHORDC1	chr11:89933596-89956532	9.1305	7.75532	-0.235507	0.662604
XLOC_002722	GRK5	chr10:120967196-121215131	6.01694	5.111	-0.235425	0.723911
XLOC_000977	PPP1R12B	chr1:202317829-202557697	0.385228	0.327235	-0.235386	0.83186

XLOC_008975	SH3GL1P1	chr17:30348154-30380519	0.339316	0.288237	-0.235373	1
XLOC_007105	HERC2P9	chr15:28899587-28930410	3.51284	2.98418	-0.235304	0.745547
XLOC_004460	SLC36A4	chr11:92880849-92931095	3.70556	3.14791	-0.235298	0.756508
XLOC_022024	SNHG6	chr8:67782983-67837777	1044.76	887.558	-0.235264	0.64985
XLOC_007911	ZNF75A	chr16:3348807-3368576	1.24714	1.05965	-0.235041	0.852271
XLOC_006512	DICER1-AS1	chr14:95624024-95646270	2.92276	2.48339	-0.235022	0.871464
XLOC_003378	METTL15	chr11:28129797-28355054	3.54365	3.01095	-0.235018	0.704283
XLOC_011392	ZNF558	chr19:8920381-8933565	4.64079	3.94323	-0.234994	0.722814
XLOC_010630	NANOS3	chr19:13988062-13991571	2.8558	2.42686	-0.234808	0.882554
XLOC_013340	LANCL1	chr2:211295972-211341499	4.92277	4.18337	-0.234804	0.687314
XLOC_016515	ZNF330	chr4:142142048-142155850	26.3344	22.3809	-0.234682	0.656809
XLOC_009873	MTMR4	chr17:56566892-56595251	6.96495	5.92018	-0.23447	0.66009
XLOC_014316	SETD4	chr21:37406838-37432819	8.80607	7.48521	-0.234454	0.779038
XLOC_021654	E2F5	chr8:86089618-86132643	8.59197	7.30444	-0.234216	0.945778
XLOC_022644	LINC00094	chr9:136890560-136933141	2.85238	2.42498	-0.234195	0.886622
XLOC_016382	PARM1	chr4:75858284-75975325	1.4087	1.19772	-0.23408	0.776524
XLOC_016185	HTT	chr4:3076407-3245687	4.17139	3.54694	-0.233954	0.67189
XLOC_003404	LDLRAD3	chr11:35965611-36252841	3.23586	2.75153	-0.233914	0.765218
XLOC_007842	PRR25	chr16:855442-863861	0.0274088	0.0233099	-0.233694	1
XLOC_002650	SFXN3	chr10:102790995-102800998	36.3167	30.8874	-0.233615	0.649964
XLOC_007767	MFGE8	chr15:89441913-89456663	12.7878	10.8772	-0.233457	0.702001
XLOC_018457	NT5DC1	chr6:116421998-116566853	10.7205	9.11994	-0.233279	0.660186
XLOC_002956	RTKN2	chr10:63952952-64028466	0.182237	0.155033	-0.233243	1
XLOC_020709	CAPZA2	chr7:116502562-116559313	46.178	39.2886	-0.233097	0.646705
XLOC_002482	SIRT1	chr10:69644426-69678147	3.84694	3.27315	-0.233034	0.720194
XLOC_011085	ZNF528	chr19:52901120-52921657	0.0410231	0.0349089	-0.232838	1
XLOC_018300	RPL7L1	chr6:42847670-42854731	19.2358	16.3689	-0.232833	0.691019
XLOC_001615	ZZZ3	chr1:78030189-78148343	3.00462	2.5569	-0.232791	0.722516
XLOC_013137	WDR33	chr2:128461807-128568761	11.8362	10.0725	-0.23278	0.664657
XLOC_009476	TMEM107	chr17:8076296-8079714	10.3972	8.84802	-0.232761	0.726595
XLOC_007774	PEX11A	chr15:90224761-90234015	2.97595	2.5326	-0.232732	0.758847
XLOC_005166	C12orf65	chr12:123717843-123742506	9.46249	8.05286	-0.232719	0.713662
XLOC_010723	ZNF85	chr19:21106058-21133503	1.50755	1.28298	-0.2327	0.825017
XLOC_013660	LPIN3	chr20:39969559-39995498	3.34794	2.84956	-0.232538	0.804694
XLOC_009256	SOX9	chr17:70117160-70122560	0.00765618	0.00651664	-0.232497	1
XLOC_021371	FAM115A	chr7:143548460-143599278	8.83999	7.52477	-0.232397	0.663013
XLOC_004300	BAD	chr11:64037299-64056972	78.2157	66.5845	-0.232271	0.776769
XLOC_016799	NAAA	chr4:76831807-76862166	10.2769	8.74912	-0.232191	0.72151
XLOC_012606	EEF1B2	chr2:207024317-207027653	2377.46	2024.09	-0.232146	0.678167
XLOC_010625	MRI1	chr19:13875336-13885096	12.8054	10.9021	-0.232142	0.684767
XLOC_001549	ZCCHC11	chr1:52888947-53018762	2.06614	1.75906	-0.232135	0.725271
XLOC_017549	BRD9	chr5:863849-892939	13.4963	11.4912	-0.232041	0.68834
XLOC_008058	LOC100862671	chr16:30751511-30756517	4.66755	3.97419	-0.232005	0.765908
XLOC_011870	ASPDH	chr19:51014856-51017947	0.0661365	0.0563237	-0.231703	1
XLOC_015581	RPL32	chr3:12876443-12883081	1469.09	1251.33	-0.231468	0.691892
XLOC_011513	MED26	chr19:16685717-16739015	5.91615	5.03944	-0.231395	0.74725
XLOC_019051	TSPYL1	chr6:116596021-116601280	22.2469	18.9505	-0.231371	0.644644
XLOC_004298	TRPT1	chr11:63974151-63993726	68.6679	58.4935	-0.231359	0.686965
XLOC_007148	CASC5	chr15:40886446-40954881	0.42438	0.361507	-0.231331	0.81604

XLOC_014804	TMPRSS6	chr22:37461478-37499693	0.0686139	0.0584493	-0.231314	1
XLOC_015849	ZBTB11	chr3:101368282-101398057	1.8343	1.5626	-0.231277	0.805129
XLOC_013971	ZHX3	chr20:39807088-39928739	2.16488	1.84428	-0.231229	0.705839
XLOC_012041	ASAP2	chr2:9346893-9545812	3.65232	3.11174	-0.231091	0.709979
XLOC_014901	TUBGCP6	chr22:50656117-50683400	5.68272	4.842	-0.230981	0.708212
XLOC_001383	MAP3K6	chr1:27681669-27693337	2.41974	2.06176	-0.230975	0.797249
XLOC_004397	FCHSD2	chr11:72547789-72853143	4.17268	3.55543	-0.230952	0.714666
XLOC_010143	MIB1	chr18:19321544-19450912	2.13098	1.81581	-0.230905	0.69194
XLOC_018221	CYP21A2	chr6:32006092-32077151	0.058089	0.0494976	-0.230905	1
XLOC_023483	SLC16A2	chrX:73641327-73753764	4.58164	3.90411	-0.23087	0.72151
XLOC_021132	PION	chr7:76940067-77045717	0.993255	0.846547	-0.230574	0.83199
XLOC_016192	ZBTB49	chr4:4291923-4323513	1.65811	1.41327	-0.2305	0.809647
XLOC_016637	MXD4	chr4:2249159-2263739	29.982	25.5557	-0.230449	0.65872
XLOC_007277	RPLP1	chr15:69745158-69747884	11564.3	9857.99	-0.230309	0.699003
XLOC_006229	GRTP1	chr13:113978504-114018463	10.8155	9.22017	-0.230233	0.758199
XLOC_007155	DLL4	chr15:41221530-41231258	1.06787	0.910354	-0.230233	0.861774
XLOC_001339	USP48	chr1:22004791-22109688	8.41056	7.17001	-0.230226	0.696463
XLOC_010974	GLTSCR2	chr19:48248792-48260323	781.299	666.09	-0.230158	0.659482
XLOC_011624	ZNF260	chr19:37001588-37019248	2.70124	2.3031	-0.23005	0.712633
XLOC_022562	PBX3	chr9:128509616-128729655	21.7547	18.5498	-0.22993	0.662987
XLOC_012976	SFXN5	chr2:73169164-73298965	0.780736	0.66575	-0.229855	0.848628
XLOC_002680	SLK	chr10:105727469-105787342	4.29772	3.66476	-0.229853	0.687762
XLOC_011057	CLEC11A	chr19:51226604-51228981	234.76	200.203	-0.229728	0.675003
XLOC_020760	MKLN1	chr7:130794854-131181398	6.05501	5.1637	-0.229724	0.64819
XLOC_024151	IDS	chrX:148560294-148586884	12.3684	10.5479	-0.2297	0.7704
XLOC_014358	ICOSLG	chr21:45646721-45660834	2.77632	2.36785	-0.229597	0.78336
XLOC_008218	LOC100130894	chr16:70721341-70835061	0.140157	0.119537	-0.229589	1
XLOC_014772	SELM	chr22:31500762-31503551	400.349	341.495	-0.229392	0.660475
XLOC_007734	EFTUD1	chr15:82422560-82555104	15.6055	13.3116	-0.229369	0.654938
XLOC_002877	EPC1	chr10:32556643-32667726	5.60821	4.78433	-0.229225	0.687824
XLOC_021802	KIFC2	chr8:145691737-145701718	15.3616	13.1053	-0.229173	0.773721
XLOC_008300	CDK10	chr16:89753075-89768121	35.1533	29.9905	-0.229155	0.790277
XLOC_017953	DUSP1	chr5:172195092-172198203	79.9807	68.2364	-0.229109	0.700208
XLOC_007456	HERC2P2	chr15:23282264-23378259	1.62686	1.38798	-0.229104	0.764196
XLOC_008154	NDRG4	chr16:58497548-58547523	4.79408	4.09027	-0.229059	0.74547
XLOC_016460	RPL34	chr4:109541721-109551639	1159.26	989.121	-0.228988	0.680271
XLOC_002385	THNSL1	chr10:25270907-25351208	12.2731	10.4721	-0.228952	0.673323
XLOC_011056	C19orf81	chr19:51152701-51162567	1.45611	1.24244	-0.22895	0.92921
XLOC_012882	MAP4K3	chr2:39476406-39664453	2.91758	2.48967	-0.228819	0.734343
XLOC_004672	CD27	chr12:6548166-6560884	0.222866	0.190195	-0.228692	1
XLOC_014702	YPEL1	chr22:22020272-22090071	2.92039	2.49231	-0.228675	0.871648
XLOC_002558	LDB3	chr10:88428205-88495824	0.0371135	0.0316759	-0.228559	1
XLOC_010157	TAF4B	chr18:23806408-23971650	1.81841	1.55205	-0.228511	0.765267
XLOC_014729	FAM211B	chr22:24979717-25024972	10.3857	8.8646	-0.228474	0.901277
XLOC_003221	B4GALNT4	chr11:369794-382117	12.8352	10.9561	-0.228368	0.714086
XLOC_023342	KRBOX4	chrX:46306623-46334074	4.32487	3.69184	-0.228317	0.748337
XLOC_000991	ZC3H11A	chr1:203764750-203823256	16.3623	13.9682	-0.228226	0.662946
XLOC_006328	LOC100129794	chr14:37147125-37642998	1.43452	1.22463	-0.228224	0.913875
XLOC_009852	MBTD1	chr17:49254785-49337427	2.56204	2.18734	-0.228117	0.723506

XLOC_004866	ZNF740	chr12:53551446-53584654	6.54072	5.58428	-0.22808	0.70237
XLOC_016279	KLF3	chr4:38614321-38703129	3.23056	2.75825	-0.228034	0.705194
XLOC_011837	PTH2	chr19:49925670-49926698	0.219485	0.187397	-0.22802	1
XLOC_014004	ZNF335	chr20:44577291-44600833	6.09551	5.20443	-0.228008	0.708849
XLOC_000736	RPS27	chr1:153963238-153964631	11965.1	10216.1	-0.227982	0.703975
XLOC_015582	IQSEC1	chr3:12938541-13114617	6.34364	5.41645	-0.227964	0.699342
XLOC_016885	RPL34-AS1	chr4:109459345-109541613	0.00507909	0.00433682	-0.227932	1
XLOC_009023	LASP1	chr17:37026111-37078023	55.6364	47.5073	-0.22788	0.663419
XLOC_013963	KIAA1755	chr20:36838906-36889174	2.16982	1.85285	-0.227829	0.751293
XLOC_021198	GJC3	chr7:99520891-99527243	0.0928037	0.0792596	-0.227597	1
XLOC_013732	TFAP2C	chr20:55204357-55214338	0.422016	0.360439	-0.227546	0.900997
XLOC_011650	ECH1	chr19:39306061-39322497	124.915	106.692	-0.2275	0.664632
XLOC_017194	POLK	chr5:74666927-74895646	1.52562	1.30315	-0.227398	0.906169
XLOC_020946	SNX13	chr7:17830384-17980131	2.79461	2.38734	-0.227241	0.712633
XLOC_012350	MRPS9	chr2:105654482-105716418	30.5463	26.0956	-0.227193	0.675661
XLOC_014322	DSCR3	chr21:38595725-38639833	15.0105	12.8234	-0.227189	0.673957
XLOC_023451	IGBP1	chrX:69353317-69386173	69.0289	58.9759	-0.227076	0.661795
XLOC_006824	ATG14	chr14:55833108-55878576	3.23279	2.762	-0.227062	0.726353
XLOC_000755	TRIM46	chr1:155146262-155157447	0.074564	0.0637061	-0.227049	1
XLOC_015163	KCTD6	chr3:58477822-58488087	5.77832	4.93735	-0.226913	0.775892
XLOC_010109	PTPRM	chr18:7567313-8406859	0.0262784	0.022459	-0.226584	1
XLOC_013756	LSM14B	chr20:60697516-60710434	22.5214	19.2509	-0.226372	0.676146
XLOC_020958	TOMM7	chr7:22852250-22862471	339.039	289.805	-0.226365	0.664979
XLOC_019127	EPM2A	chr6:145946439-146285233	0.523661	0.447621	-0.226355	0.967296
XLOC_018416	MANEA	chr6:96025372-96057328	1.44004	1.23094	-0.226348	0.779476
XLOC_009283	KIAA0195	chr17:73452663-73511627	11.2748	9.63766	-0.226346	0.732443
XLOC_004392	CLPB	chr11:72003469-72145724	6.83246	5.84068	-0.226267	0.724473
XLOC_009648	SRCIN1	chr17:36686258-36762183	0.564209	0.482387	-0.226039	0.858227
XLOC_011215	ZNF264	chr19:57702867-57734214	1.39771	1.19506	-0.225986	0.726595
XLOC_020493	ZNF713	chr7:55980330-56008433	0.202289	0.172972	-0.22588	1
XLOC_000770	LMNA	chr1:156052368-156109880	84.1929	71.9959	-0.225784	0.690491
XLOC_002707	FAM160B1	chr10:116581502-116659586	2.1052	1.80022	-0.225782	0.742691
XLOC_017313	RAD50	chr5:131892615-131980313	3.18381	2.72287	-0.225625	0.70088
XLOC_015891	GSK3B	chr3:119540801-119813264	5.21469	4.45981	-0.225599	0.689772
XLOC_011919	ZNF600	chr19:53268747-53290034	4.76838	4.07816	-0.225583	0.73942
XLOC_010610	ZNF791	chr19:12721731-12740676	1.17662	1.00635	-0.225519	0.840753
XLOC_012214	ETAA1	chr2:67624441-67637533	2.8644	2.44991	-0.225503	0.752397
XLOC_012011	SLC27A5	chr19:59009699-59023432	17.5774	15.0348	-0.225411	0.7048
XLOC_016935	MGARP	chr4:140187316-140201492	0.243545	0.208354	-0.225153	1
XLOC_011300	GNG7	chr19:2511217-2702746	1.52559	1.30518	-0.225111	0.825475
XLOC_010134	RNMT	chr18:13726703-13764554	8.85007	7.57207	-0.225001	0.673957
XLOC_012390	LOC654433	chr2:113973573-114036498	3.31214	2.83392	-0.224963	0.903455
XLOC_014152	MRPS6,SLC5A3	chr21:35445822-35515334	59.6589	51.0457	-0.224948	0.72443
XLOC_014308	CRYZL1	chr21:34961647-35014160	5.56886	4.76532	-0.224809	0.765267
XLOC_014971	BTD	chr3:15643254-15687325	1.17996	1.0097	-0.224806	0.8626
XLOC_019161	RSPH3	chr6:159398265-159421198	2.04582	1.75079	-0.224677	0.825017
XLOC_004065	DENND5A	chr11:9160374-9286873	9.44267	8.08144	-0.224583	0.677271
XLOC_003428	MAPK8IP1	chr11:45907046-45928016	0.836624	0.716066	-0.224486	0.883608
XLOC_015713	USP4	chr3:49314576-49377536	3.5312	3.02252	-0.22441	0.73154

XLOC_003710	PPME1	chr11:73882107-73965748	43.4461	37.1895	-0.224331	0.670458
XLOC_020921	PMS2	chr7:6012869-6048737	1.40849	1.20566	-0.22433	0.832978
XLOC_011371	XAB2	chr19:7684410-7694439	31.6463	27.0948	-0.224023	0.687824
XLOC_017141	GPBP1	chr5:56469774-56560506	13.801	11.8175	-0.223855	0.674951
XLOC_023016	ZNF883	chr9:115759399-115774472	8.14395	6.9738	-0.223785	0.703481
XLOC_005434	TUBA1A	chr12:49578577-49583107	43.3373	37.1129	-0.223689	0.684018
XLOC_023876	FAM156A,FAM156B	chrX:52976463-53024651	0.527775	0.451995	-0.223616	0.88464
XLOC_021197	TRIM4	chr7:99488029-99517223	9.23046	7.90512	-0.223615	0.691685
XLOC_010009	LGALS3BP	chr17:76967334-76976061	39.2104	33.5853	-0.223408	0.681816
XLOC_022684	MAN1B1	chr9:139981378-140003639	39.8302	34.1166	-0.22339	0.673323
XLOC_023544	FAM199X	chrX:103411155-103440582	3.30396	2.83006	-0.223365	0.69753
XLOC_006068	STARD13	chr13:33677271-34250932	1.4903	1.27658	-0.223312	0.779038
XLOC_004849	DAZAP2	chr12:51632507-51664202	28.6157	24.5132	-0.223251	0.916584
XLOC_023972	TSPAN6	chrX:99883794-99891794	17.6523	15.1225	-0.223161	0.687955
XLOC_013291	GTF3C3	chr2:197627755-197664492	11.4642	9.82145	-0.223125	0.669767
XLOC_000356	PLK3	chr1:45266035-45272957	16.4011	14.0513	-0.22309	0.714086
XLOC_016883	PAPSS1	chr4:108534821-108641419	16.0709	13.7684	-0.223086	0.691509
XLOC_017126	ITGA1,PELO	chr5:52083773-52249485	14.4977	12.4214	-0.222999	0.696463
XLOC_001104	GNPAT	chr1:231359508-231413719	17.5484	15.0378	-0.222746	0.72013
XLOC_013591	TM9SF4	chr20:30697308-30755061	14.9513	12.8123	-0.222743	0.687955
XLOC_016907	SEC24D	chr4:119643977-119757326	3.08331	2.6422	-0.222742	0.756508
XLOC_000373	LOC729041	chr1:46899498-46911374	1.97568	1.69317	-0.222618	0.861774
XLOC_015015	CTDSPL	chr3:37903668-38025960	5.76647	4.94228	-0.222513	0.717262
XLOC_002649	LZTS2	chr10:102756863-102790914	54.9507	47.0976	-0.222486	0.687114
XLOC_015541	FYTTD1	chr3:197398258-197511317	8.93901	7.66162	-0.222466	0.77012
XLOC_006360	CGRRF1	chr14:54976586-55005334	6.55026	5.61514	-0.222231	0.785794
XLOC_017625	TTC33	chr5:40711677-40756072	1.56253	1.33952	-0.222171	0.761614
XLOC_013288	STK17B	chr2:196998306-197036336	2.82969	2.42584	-0.222155	0.733086
XLOC_009378	RILP	chr17:1549444-1553392	19.9415	17.0984	-0.221917	0.745547
XLOC_016139	TFRC	chr3:195776154-195809032	8.01921	6.87632	-0.221823	0.688049
XLOC_021264	THAP5	chr7:108202670-108210167	5.64803	4.84328	-0.221765	0.715999
XLOC_009544	FAM83G	chr17:18853988-18950336	12.1506	10.4203	-0.221638	0.727839
XLOC_002801	ANKRD16	chr10:5903688-5979558	12.8421	11.0133	-0.22163	0.931662
XLOC_010577	PDE4A	chr19:10527448-10580307	1.31522	1.12798	-0.221567	0.829483
XLOC_009739	KAT2A	chr17:40265128-40273382	37.4354	32.1061	-0.221556	0.684382
XLOC_022673	PHPT1	chr9:139743255-139745490	116.562	99.9695	-0.221543	0.679486
XLOC_004334	C11orf68	chr11:65684282-65686531	51.2052	43.9161	-0.221539	0.685136
XLOC_006424	PCNX	chr14:71374121-71582099	2.731	2.34247	-0.221397	0.689366
XLOC_016070	TBL1XR1	chr3:176738541-176915048	17.1932	14.7478	-0.221334	0.677376
XLOC_014489	CCDC117	chr22:29168661-29185283	4.99164	4.2817	-0.221329	0.720534
XLOC_009789	MAP3K14	chr17:43325302-43394414	3.02553	2.59536	-0.221251	0.7704
XLOC_007208	DTWD1	chr15:49913225-49937333	8.44904	7.24782	-0.221241	0.708873
XLOC_010514	RPL36	chr19:5690271-5691678	5939.39	5095.07	-0.221213	0.701277
XLOC_009995	JMJD6	chr17:74708913-74722881	21.6851	18.6031	-0.221162	0.713685
XLOC_016137	TNK2	chr3:195590235-195635880	8.62717	7.40161	-0.221048	0.722089
XLOC_022062	IMPA1	chr8:82569150-82598589	9.3203	7.99763	-0.220804	0.696059
XLOC_011224	ZNF749	chr19:57946692-57957191	0.770857	0.661463	-0.220802	0.854497
XLOC_003927	VPS26B	chr11:134094560-134117686	15.912	13.6546	-0.220731	0.689784
XLOC_000905	FAM20B	chr1:178995073-179045702	8.00257	6.86732	-0.220716	0.681529

XLOC_012334	RPL31	chr2:101618690-101767846	5028.8	4315.95	-0.220535	0.714019
XLOC_010554	MARCH2	chr19:8478186-8503899	14.2686	12.2463	-0.220491	0.765908
XLOC_002787	IDI1	chr10:1064846-1095061	17.0812	14.6605	-0.220473	0.759309
XLOC_023419	TSPYL2	chrX:53111541-53117728	13.7219	11.7774	-0.220466	0.70174
XLOC_005481	KRT8	chr12:53290970-53346685	21.7829	18.6995	-0.220201	0.946581
XLOC_021159	FAM133B	chr7:92190071-92219706	12.9637	11.129	-0.220156	0.710024
XLOC_000670	PLEKH01	chr1:150122169-150131825	22.8544	19.6212	-0.220056	0.715955
XLOC_008103	RBL2	chr16:53468350-53537170	3.5744	3.06883	-0.220009	0.835517
XLOC_023272	MOSPD2	chrX:14891526-14939459	0.793665	0.681425	-0.219975	0.849964
XLOC_022482	ZNF189	chr9:104161162-104172942	5.9408	5.10073	-0.219955	0.71967
XLOC_021957	RAB11FIP1	chr8:37716464-37757015	4.78693	4.11011	-0.219924	0.704283
XLOC_008021	SH2B1	chr16:28875077-28885534	13.4233	11.5261	-0.21984	0.714019
XLOC_023354	ARAF	chrX:47420498-47479256	18.1465	15.5823	-0.219783	0.954469
XLOC_002756	DOCK1	chr10:128594022-129250780	5.94543	5.10539	-0.219758	0.684734
XLOC_008509	MAPK3	chr16:30125425-30134630	72.0585	61.8785	-0.21973	0.681274
XLOC_017359	TMCO6	chr5:140019011-140027370	9.74122	8.3663	-0.219513	0.907121
XLOC_018390	BCKDHB	chr6:80816343-81055987	7.63787	6.56035	-0.219398	0.779021
XLOC_009552	ULK2	chr17:19674142-19771239	1.56153	1.34126	-0.219369	0.818403
XLOC_013278	OSGEPL1	chr2:190611385-190627924	2.02648	1.74066	-0.219342	0.823349
XLOC_004357	TMEM134	chr11:67231818-67236748	44.5146	38.2375	-0.219291	0.733299
XLOC_023836	ZNF182	chrX:47834249-47863394	1.17493	1.00927	-0.219258	0.818547
XLOC_010499	MPND	chr19:4343523-4360083	23.2535	19.9752	-0.21924	0.72546
XLOC_016006	SIAH2	chr3:150458909-150481263	15.8554	13.6204	-0.219205	0.720235
XLOC_016841	ABCG2	chr4:89011415-89152474	0.533199	0.458058	-0.219145	0.853245
XLOC_010867	LTBP4	chr19:41099071-41135725	16.0043	13.7493	-0.219096	0.699559
XLOC_004639	LOC100288778	chr12:87983-91263	13.308	11.4336	-0.219016	0.767216
XLOC_009764	DUSP3	chr17:41843488-41856368	22.3656	19.2188	-0.218762	0.678596
XLOC_016523	SMAD1	chr4:146402950-146480325	3.90977	3.35997	-0.218634	0.764456
XLOC_013069	REV1	chr2:100016937-100106480	2.90981	2.50063	-0.218632	0.751293
XLOC_007979	TMEM159	chr16:20944475-21191937	48.1301	41.3657	-0.218505	0.684169
XLOC_005063	HSP90B1	chr12:104324111-104341708	91.4025	78.5602	-0.218436	0.687065
XLOC_020591	ADAM22	chr7:87563565-87832204	0.520395	0.44729	-0.218396	0.844936
XLOC_023900	SPIN4	chrX:62567106-62571218	1.44223	1.23965	-0.218375	0.814132
XLOC_008594	ZNF319	chr16:58028572-58033762	3.14934	2.70705	-0.218332	0.779476
XLOC_008102	CHD9	chr16:53088944-53361414	1.76532	1.51769	-0.218057	0.719979
XLOC_023711	GDI1	chrX:153665258-153671814	50.7635	43.6479	-0.217878	0.682121
XLOC_006046	LNX2	chr13:28120049-28194720	1.63938	1.40963	-0.217833	0.787439
XLOC_017628	RPL37	chr5:40831429-40835387	1110.69	955.051	-0.21781	0.709189
XLOC_008245	ATMIN	chr16:81069457-81080951	4.11869	3.54194	-0.217647	0.727472
XLOC_013361	USP37	chr2:219314973-219433084	1.21781	1.04728	-0.21763	0.76146
XLOC_021432	ARHGEF10	chr8:1772148-1906807	6.18831	5.32195	-0.217589	0.704283
XLOC_020673	LOC100289561,P	chr7:102004307-102067129	31.6664	27.2339	-0.217549	0.732699
XLOC_023616	MST4	chrX:131157244-131209971	11.2917	9.71117	-0.217541	0.70088
XLOC_015824	ROBO1	chr3:78646387-79817059	1.03952	0.894042	-0.217504	0.798422
XLOC_010799	LIN37	chr19:36239261-36245420	9.3905	8.07833	-0.217145	0.801209
XLOC_005398	SCAF11	chr12:46312913-46384401	4.28482	3.68613	-0.217127	0.703507
XLOC_014528	TOM1	chr22:35695267-35743987	17.1085	14.7182	-0.217117	0.70639
XLOC_018452	FAM229B	chr6:112391859-112423993	2.55799	2.20061	-0.217102	0.947261
XLOC_017548	ZDHHC11	chr5:795719-851101	3.37918	2.90725	-0.217018	0.79984

XLOC_014384	FTCD	chr21:47556175-47575481	0.0151648	0.0130476	-0.216942	1
XLOC_013909	MLLT10P1	chr20:29637583-29638138	0.13144	0.113097	-0.216845	1
XLOC_010130	CEP192	chr18:12991360-13125051	0.978568	0.842087	-0.216703	0.778822
XLOC_001707	DRAM2	chr1:111659953-111727724	21.7039	18.6775	-0.21665	0.790277
XLOC_023438	ZXDB	chrX:57618268-57623910	4.4255	3.80861	-0.216578	0.734343
XLOC_001520	IPP	chr1:46153846-46216485	1.32932	1.14402	-0.216578	0.969922
XLOC_010336	TPGS2	chr18:33877701-34805288	35.1109	30.2166	-0.216577	0.774988
XLOC_013766	MRGBP	chr20:61427804-61431945	40.7995	35.1144	-0.216491	0.698498
XLOC_005484	CSAD	chr12:53551446-53584654	2.11517	1.82058	-0.216374	0.946021
XLOC_012318	ANKRD36	chr2:97779232-97930257	0.310932	0.267633	-0.216343	1
XLOC_015020	OXSR1	chr3:38207025-38296979	8.80323	7.57763	-0.216285	0.703975
XLOC_007275	PAQR5	chr15:69591293-69699976	2.81426	2.42247	-0.21628	0.756947
XLOC_000405	LRRC42	chr1:54411998-54433841	27.3061	23.5054	-0.21623	0.696059
XLOC_005513	SARNP	chr12:56137063-56211540	43.3286	37.3002	-0.216139	0.779038
XLOC_008660	ZNF19	chr16:71507975-71523254	0.756274	0.651091	-0.21605	0.872122
XLOC_011452	ZNF490	chr19:12686919-12721623	1.77553	1.52861	-0.216027	0.773721
XLOC_000508	RPAP2	chr1:92711954-92853732	4.80971	4.14095	-0.215987	0.824372
XLOC_003222	PKP3	chr11:394216-404908	42.3071	36.4259	-0.215936	0.700403
XLOC_011783	PRKD2	chr19:47150868-47220384	16.1745	13.9262	-0.215922	0.731905
XLOC_022291	ADAMTSL1	chr9:18474078-18910947	0.50641	0.436047	-0.215823	0.908076
XLOC_015328	IFT122	chr3:129149786-129239191	3.0361	2.61437	-0.215756	0.901684
XLOC_015811	UBA3	chr3:69103880-69129524	15.5477	13.3882	-0.21574	0.703707
XLOC_004615	CDON	chr11:125826712-125933187	0.253587	0.218407	-0.215461	1
XLOC_001340	HSPG2	chr1:22138757-22263750	1.64671	1.41836	-0.215366	0.759979
XLOC_004516	EXPH5	chr11:108376157-108464374	0.295075	0.25416	-0.215345	1
XLOC_010443	ABCA7	chr19:1040101-1065570	2.30286	1.98368	-0.215252	0.792587
XLOC_022214	TOP1MT	chr8:144391496-144442147	114.16	98.3504	-0.215054	0.690491
XLOC_018866	TREM1	chr6:41242998-41254457	0.0978412	0.084305	-0.214825	1
XLOC_012451	UBXN4	chr2:136499188-136542633	16.5215	14.237	-0.214695	0.698621
XLOC_005997	MCF2L	chr13:113623534-113754053	1.59543	1.37491	-0.21461	0.794913
XLOC_004486	TMEM123	chr11:102267055-102323775	44.2528	38.1386	-0.214518	0.695702
XLOC_015231	PCNP	chr3:101293041-101313281	44.5858	38.429	-0.214386	0.68826
XLOC_014253	APP	chr21:27252860-27543446	74.3017	64.0444	-0.214322	0.7038
XLOC_022972	CORO2A	chr9:100883256-100954956	5.57063	4.80195	-0.214218	0.708528
XLOC_010821	ZNF383	chr19:37717365-37734574	1.99367	1.71858	-0.214208	0.840956
XLOC_022004	IMPAD1	chr8:57870487-57906430	10.353	8.9247	-0.21418	0.690264
XLOC_017344	REEP2	chr5:137774689-137782658	49.1583	42.3765	-0.21417	0.700234
XLOC_010574	ICAM1	chr19:10381516-10397291	28.5677	24.6284	-0.214059	0.696839
XLOC_002021	VAMP4	chr1:171669295-171711379	2.81514	2.4272	-0.213912	0.796099
XLOC_004862	EIF4B	chr12:53400061-53435993	169.658	146.283	-0.213866	0.703507
XLOC_021621	C8orf44,C8orf44-5	chr8:67579786-67774257	2.33243	2.01118	-0.213794	0.825602
XLOC_021329	WDR91	chr7:134868589-134896316	2.4389	2.10305	-0.213745	0.775951
XLOC_016509	CCRN4L	chr4:139936942-139967095	12.1919	10.5146	-0.213529	0.745301
XLOC_005593	PHLDA1	chr12:76419226-76425556	70.2845	60.6187	-0.213444	0.7048
XLOC_014939	CRELD1	chr3:9975523-9987097	11.6948	10.087	-0.213372	0.741015
XLOC_023595	ZBTB33	chrX:119384606-119392251	3.93213	3.39164	-0.213331	0.730157
XLOC_016568	MSMO1	chr4:166248817-166264314	19.0637	16.4457	-0.213111	0.706799
XLOC_012206	LGALS1	chr2:64681326-64688517	5.67866	4.89927	-0.212983	0.733299
XLOC_014905	PLXNB2	chr22:50713407-50746001	22.7982	19.6692	-0.212978	0.699342

XLOC_021135	MAGI2	chr7:77646373-79100524	0.241489	0.208365	-0.212844	1
XLOC_001293	ZBTB17	chr1:16268363-16302627	12.1987	10.5255	-0.21284	0.744582
XLOC_024061	THOC2	chrX:122734411-122866904	3.5368	3.05179	-0.21279	0.731108
XLOC_007741	RPS17L	chr15:83205503-83209208	0.962944	0.830965	-0.212664	0.950837
XLOC_009893	BRIP1	chr17:59756546-59940920	1.43131	1.23526	-0.212527	0.763906
XLOC_022836	FBXO10	chr9:37510888-37576250	2.43723	2.10346	-0.212477	0.784528
XLOC_021256	CCDC71L	chr7:106297210-106301634	3.00072	2.58979	-0.212472	0.7704
XLOC_000307	SMAP2	chr1:40839377-40888998	15.8101	13.6453	-0.212444	0.714933
XLOC_003977	SLC22A18AS	chr11:2909326-2946476	0.986316	0.85129	-0.212399	0.958143
XLOC_015111	RBM5	chr3:50126340-50156397	23.9876	20.7039	-0.212384	0.700712
XLOC_016000	WWTR1	chr3:149235021-149421060	2.22841	1.92341	-0.212347	0.771216
XLOC_013281	HIBCH	chr2:191069359-191184771	2.46741	2.1297	-0.212346	0.83199
XLOC_000894	RABGAP1L	chr1:174128551-174964445	2.72274	2.35012	-0.212328	0.898731
XLOC_023368	TBC1D25	chrX:48398074-48420997	6.17022	5.32692	-0.212019	0.743519
XLOC_008004	TNRC6A	chr16:24741048-24837547	1.39964	1.20839	-0.211969	0.773721
XLOC_002975	LRRC20	chr10:72058728-72142382	6.11986	5.28371	-0.211948	0.752311
XLOC_020739	CCDC136	chr7:128431463-128462187	6.23479	5.38314	-0.211894	0.795696
XLOC_005847	PDS5B	chr13:33160563-33352158	1.8993	1.63996	-0.21181	0.749866
XLOC_014924	EDEM1	chr3:5229358-5261650	9.99839	8.63341	-0.211764	0.704939
XLOC_024178	IDH3G	chrX:153051220-153063967	67.3951	58.1966	-0.211709	0.907499
XLOC_017004	FBXO8	chr4:175157809-175254531	3.73124	3.22205	-0.211677	0.878705
XLOC_023078	RPL12	chr9:130209952-130213711	10135.5	8754.06	-0.211397	0.756508
XLOC_023896	SPIN3	chrX:57002802-57021988	2.09104	1.80617	-0.211285	0.863853
XLOC_011724	LYPD3	chr19:43964945-43969831	0.448855	0.387716	-0.211248	0.934861
XLOC_012115	PPP1CB	chr2:28974613-29025806	22.641	19.5611	-0.210951	0.69048
XLOC_016911	PDE5A	chr4:120375937-120549981	0.338432	0.292437	-0.210736	1
XLOC_011828	CGB8	chr19:49550894-49552368	0.826995	0.714679	-0.210583	0.94188
XLOC_008894	LLGL1	chr17:18128935-18162230	17.8173	15.3978	-0.210559	0.927002
XLOC_010359	DYM	chr18:46570171-46987079	9.42435	8.14463	-0.210544	0.732699
XLOC_018790	PBX2	chr6:32152509-32157963	29.5435	25.5348	-0.210374	0.699944
XLOC_010888	RPS19	chr19:42363987-42375484	6186.11	5346.91	-0.210329	0.745547
XLOC_016714	SMIM14	chr4:39529458-39640481	1.35251	1.16906	-0.210297	0.940466
XLOC_000604	DCLRE1B	chr1:114447914-114456708	2.80533	2.42508	-0.210134	0.7883
XLOC_000438	RAVER2	chr1:65210777-65432187	5.23691	4.52747	-0.21001	0.905903
XLOC_007400	TTLL13	chr15:90792763-90802312	0.126438	0.109315	-0.209939	1
XLOC_017981	FAM193B	chr5:176946789-176981548	9.05876	7.83207	-0.20992	0.758236
XLOC_004515	KDELC2	chr11:108342832-108369159	4.10617	3.55043	-0.2098	0.747301
XLOC_000431	EFCAB7	chr1:63989012-64038364	0.894701	0.77361	-0.2098	0.869296
XLOC_004450	RAB38	chr11:87846414-87908635	22.7029	19.6319	-0.209678	0.730925
XLOC_021038	CAMK2B	chr7:44256748-44365230	0.06306	0.0545305	-0.209661	1
XLOC_011279	MEX3D	chr19:1554667-1568057	25.2282	21.8162	-0.209637	0.740059
XLOC_009349	RAC3	chr17:79989531-79992080	234.259	202.582	-0.209604	0.703945
XLOC_017073	LOC100505738,M	chr5:8457799-8463209	2.5586	2.21269	-0.209555	0.852189
XLOC_004336	CATSPER1	chr11:65784222-65793988	2.1493	1.859	-0.209344	0.851662
XLOC_016391	SEPT11	chr4:77870894-77959768	13.7949	11.9326	-0.209228	0.704939
XLOC_013761	RPS21	chr20:60962120-60963576	7610.47	6583.18	-0.209201	0.730157
XLOC_017785	ALDH7A1	chr5:125877532-125931082	14.7981	12.8019	-0.209044	0.707665
XLOC_021553	BAG4	chr8:38020838-38070819	3.86005	3.33938	-0.209037	0.88321
XLOC_009822	HOXB9	chr17:46698518-46703835	23.3776	20.2294	-0.208671	0.71967

XLOC_022962	ZNF782	chr9:99579272-99616389	0.614762	0.531978	-0.208663	0.868782
XLOC_017913	FLJ38109	chr5:153570294-153825382	0.0608279	0.0526369	-0.208659	1
XLOC_010065	B3GNTL1	chr17:80901666-81009686	6.03695	5.22433	-0.208575	0.835542
XLOC_011038	CPT1C	chr19:50194364-50216988	4.95544	4.2887	-0.208474	0.807468
XLOC_023795	KLHL15	chrX:24001832-24045303	1.50711	1.30435	-0.208455	0.781758
XLOC_005887	MED4-AS1	chr13:48649863-48669277	3.64859	3.15822	-0.208227	0.977857
XLOC_003985	ZNF195	chr11:3379156-3400452	7.04889	6.10165	-0.208198	0.740791
XLOC_001719	PPM1J	chr1:113252615-113257950	22.239	19.2522	-0.208067	0.732699
XLOC_022572	STXBP1	chr9:130374485-130454995	20.1552	17.4488	-0.208024	0.707415
XLOC_017663	IL6ST	chr5:55230924-55290821	2.91642	2.52494	-0.207949	0.733842
XLOC_021781	TIGD5	chr8:144680073-144682485	27.4881	23.7988	-0.207916	0.736361
XLOC_015339	NUDT16P1	chr3:130745693-131100319	3.83469	3.32006	-0.207899	0.827846
XLOC_020604	RBM48	chr7:92158086-92166823	7.57622	6.55948	-0.207896	0.76721
XLOC_012193	PAPOLG	chr2:60983364-61029221	1.6518	1.43021	-0.207814	0.767689
XLOC_001387	AHDC1	chr1:27860755-27930143	1.47526	1.27735	-0.207813	0.831151
XLOC_004713	PHC1	chr12:9067315-9102357	4.28912	3.71463	-0.207462	0.954501
XLOC_015456	ZNF639	chr3:179041550-179053320	9.51535	8.24117	-0.207409	0.734869
XLOC_020720	FEZF1-AS1	chr7:121941447-121950131	2.51902	2.18181	-0.207339	0.857446
XLOC_015759	TNNC1	chr3:52485106-52488057	0.438487	0.37983	-0.207182	0.951036
XLOC_009510	COX10-AS1	chr17:13932608-14111996	1.44376	1.2507	-0.2071	0.952184
XLOC_012596	FAM117B	chr2:203499900-203634480	1.44965	1.25581	-0.207087	0.800138
XLOC_010620	DAND5	chr19:13080431-13085567	0.102548	0.0888408	-0.207001	1
XLOC_001662	ARHGAP29	chr1:94634462-94703307	33.193	28.7567	-0.206981	0.708142
XLOC_000032	PRKCZ	chr1:1981908-2144159	18.9491	16.4167	-0.206964	0.885634
XLOC_008868	ZNF286A	chr17:15602890-15624100	2.313	2.00437	-0.206615	0.765267
XLOC_023689	ZNF275	chrX:152599612-152618384	2.97389	2.57708	-0.206611	0.766358
XLOC_015060	ZNF197	chr3:44666510-44689963	3.10622	2.69178	-0.206602	0.785473
XLOC_005349	ST8SIA1	chr12:22346324-22487648	0.00471242	0.00408395	-0.206503	1
XLOC_007408	MAN2A2	chr15:91447419-91465815	7.45828	6.46371	-0.206479	0.720534
XLOC_017449	LSM11	chr5:157170754-157183746	1.51321	1.31146	-0.206433	0.862353
XLOC_004062	NRIP3	chr11:9002122-9025596	0.0194327	0.0168419	-0.206432	1
XLOC_007855	MAPK8IP3	chr16:1756220-1820318	9.26667	8.03135	-0.206409	0.735532
XLOC_010177	ELP2	chr18:33709836-33754688	28.1892	24.4341	-0.206241	0.719384
XLOC_021250	SRPK2	chr7:104756822-105029341	9.06941	7.86224	-0.206068	0.723701
XLOC_000493	LOC339524	chr1:87595447-87634886	0.0212214	0.0183968	-0.206065	1
XLOC_006647	ZFYVE21	chr14:104182080-104200005	27.6461	23.9666	-0.20605	0.736305
XLOC_003934	SIRT3	chr11:208529-236362	12.0989	10.489	-0.206004	0.933451
XLOC_001775	FMO5	chr1:146655883-146697230	0.139268	0.120738	-0.205982	1
XLOC_023070	RPL35	chr9:127615695-127624240	10398.7	9015.47	-0.205932	0.747781
XLOC_010442	CNN2	chr19:1026297-1039064	118.26	102.534	-0.205857	0.703754
XLOC_018504	RPS12	chr6:133135707-133138703	9250.97	8021.01	-0.20582	0.753604
XLOC_009779	GPATCH8	chr17:42472644-42580957	4.78873	4.15211	-0.205799	0.721923
XLOC_022576	CDK9	chr9:130548304-130553052	49.257	42.7097	-0.205765	0.711466
XLOC_015459	NDUFB5	chr3:179322574-179342288	76.7138	66.5242	-0.205607	0.710632
XLOC_020611	CASD1	chr7:94139169-94186328	3.81051	3.30439	-0.205597	0.764456
XLOC_004929	COQ10A	chr12:56660641-56664750	12.806	11.1051	-0.205594	0.770634
XLOC_006883	NUMB	chr14:73741917-73925286	10.5629	9.1602	-0.205555	0.730925
XLOC_004965	RASSF3	chr12:65004292-65091347	6.12568	5.31278	-0.205404	0.75446
XLOC_014561	GTPBP1	chr22:39101806-39129592	13.789	11.9608	-0.205201	0.720043

XLOC_012487	GCA	chr2:163200582-163219148	2.4152	2.09506	-0.205154	0.7996
XLOC_022462	LOC100132781	chr9:99631181-99634510	0.023182	0.0201107	-0.205045	1
XLOC_015223	TBC1D23	chr3:99979660-100044096	10.2181	8.86461	-0.205004	0.717284
XLOC_003959	KRTAP5-1	chr11:1490684-1785501	0.110298	0.0956936	-0.204909	1
XLOC_004635	IGSF9B	chr11:133785184-133826880	0.134498	0.116694	-0.204848	1
XLOC_007531	VPS39	chr15:42450898-42500502	8.36666	7.25948	-0.204786	0.726498
XLOC_008974	LRR37B	chr17:30348154-30380519	1.82511	1.5836	-0.204781	0.844936
XLOC_013902	NINL	chr20:25433337-25566153	2.08436	1.80854	-0.20478	0.80614
XLOC_018886	ZNF318	chr6:43303807-43337181	2.40652	2.08823	-0.20467	0.749328
XLOC_015701	DALRD3	chr3:49044636-49060926	36.32	31.5188	-0.204554	0.9183
XLOC_004760	AEBP2	chr12:19592607-19675173	1.79281	1.55584	-0.204524	0.796473
XLOC_017551	SLC12A7	chr5:1050488-1112172	12.8134	11.1202	-0.204472	0.713685
XLOC_012511	DYNC112	chr2:172543918-172606668	13.5914	11.796	-0.204385	0.712857
XLOC_003632	TSGA10IP	chr11:65713114-65727434	0.645351	0.560116	-0.204359	0.921269
XLOC_006136	DHRS12	chr13:52342128-52378298	2.50104	2.17076	-0.204329	0.879055
XLOC_008090	PHKB	chr16:47495209-47735434	3.75348	3.25877	-0.203903	0.740552
XLOC_009076	CNTNAP1	chr17:40834631-40852011	6.5814	5.71404	-0.203883	0.756518
XLOC_021900	NUDT18	chr8:21964382-21966932	11.7824	10.23	-0.203828	0.7898
XLOC_008339	NME3	chr16:1820320-1821710	70.6554	61.3511	-0.203712	0.75445
XLOC_001457	SNIP1	chr1:38000049-38019945	3.96191	3.44019	-0.203709	0.77012
XLOC_020845	ATP6V0E2	chr7:149564782-149577787	0.00996869	0.00865616	-0.203677	1
XLOC_021220	GIGYF1	chr7:100277129-100286870	21.3073	18.502	-0.203667	0.710992
XLOC_001496	CCDC23	chr1:43272722-43310660	11.3612	9.86604	-0.203579	0.86364
XLOC_003534	TMEM132A	chr11:60691912-60719257	31.5701	27.4155	-0.203567	0.731166
XLOC_009924	GNA13	chr17:63005406-63052920	5.84774	5.07837	-0.203512	0.728025
XLOC_000970	SHISA4	chr1:201857796-201861715	11.7787	10.2294	-0.203455	0.784626
XLOC_012826	DTNB	chr2:25600066-25896516	14.4625	12.5612	-0.203344	0.749866
XLOC_002064	RNASEL	chr1:182542768-182558394	0.452083	0.392663	-0.203297	0.885215
XLOC_015731	HYAL1	chr3:50337319-50349812	0.0317536	0.027583	-0.203142	1
XLOC_001567	PARS2	chr1:55222570-55230226	5.92295	5.1454	-0.203032	0.785473
XLOC_011587	RHPN2	chr19:33469497-33555824	5.18869	4.50778	-0.202953	0.765267
XLOC_023722	FUNDC2	chrX:154255063-154285191	20.311	17.6461	-0.202908	0.726456
XLOC_006912	VIPAS39	chr14:77893017-77923983	5.89683	5.12325	-0.20288	0.784983
XLOC_014486	TTC28-AS1	chr22:28315363-29075853	13.2962	11.5529	-0.202759	0.852179
XLOC_002100	DDX59	chr1:200613164-200639126	4.81926	4.18749	-0.202725	0.786895
XLOC_001210	SLC35E2	chr1:1656276-1677438	3.43793	2.9874	-0.20265	0.865084
XLOC_022571	LRSAM1	chr9:130213764-130265780	16.7848	14.5864	-0.202534	0.737328
XLOC_011275	GAMT	chr19:1397024-1401569	0.256211	0.222661	-0.202487	1
XLOC_011669	DYRK1B	chr19:40315989-40324841	1.07151	0.931374	-0.202218	0.892568
XLOC_010265	THOC1	chr18:214519-268059	8.25488	7.17556	-0.202156	0.7548
XLOC_000453	SRSF11	chr1:70671364-70717701	34.3251	29.8405	-0.201991	0.725228
XLOC_013977	C20orf111	chr20:42824580-42839546	28.1677	24.4888	-0.201923	0.725739
XLOC_015655	ZNF445	chr3:44481261-44519162	1.10369	0.959583	-0.201849	0.783531
XLOC_023766	PIGA	chrX:15337572-15353676	2.58787	2.25011	-0.201772	0.81053
XLOC_003082	HPS1	chr10:100175954-100206704	31.8286	27.6747	-0.201755	0.761906
XLOC_009382	SMYD4	chr17:1682828-1733175	2.11894	1.84242	-0.201739	0.809839
XLOC_003958	DUSP8	chr11:1490684-1785501	4.76929	4.14716	-0.201651	0.976134
XLOC_023744	LOC389906	chrX:3735575-3761935	17.7184	15.4084	-0.201535	0.761869
XLOC_005867	OR7E37P	chr13:42016699-42017902	0.227651	0.197978	-0.201485	1

XLOC_000946	CDC73	chr1:193091087-193223942	5.24082	4.55823	-0.20132	0.733299
XLOC_004674	NCAPD2	chr12:6603297-6641132	29.3025	25.4874	-0.201236	0.722089
XLOC_014549	H1F0	chr22:38201113-38203443	193.138	167.993	-0.20123	0.734097
XLOC_009408	CAMKK1	chr17:3763616-3796337	5.8534	5.09138	-0.201219	0.774988
XLOC_009390	MNT	chr17:2287353-2304258	6.98505	6.0759	-0.201172	0.756518
XLOC_014594	SREBF2	chr22:42229105-42302375	26.4495	23.0071	-0.201161	0.712857
XLOC_012833	OST4	chr2:27274490-27294567	515.391	448.325	-0.201124	0.765267
XLOC_021367	FAM131B	chr7:143050492-143059840	5.5191	4.80121	-0.201036	0.763798
XLOC_021352	BRAF	chr7:140433812-140624564	2.02443	1.76124	-0.200926	0.832068
XLOC_004869	PFDN5	chr12:53689234-53693234	512.632	445.999	-0.200883	0.724387
XLOC_015384	C3orf58	chr3:143690639-143711210	3.24317	2.82196	-0.200707	0.784296
XLOC_016585	NEIL3	chr4:178230990-178284092	1.55239	1.35082	-0.200653	0.857377
XLOC_022349	LOC100506710	chr9:37079892-37090398	7.38191	6.42372	-0.200584	0.736595
XLOC_011078	ZNF613	chr19:52430687-52449011	1.54167	1.34158	-0.200558	0.858729
XLOC_008302	ZNF276	chr16:89773540-89883065	5.66525	4.9304	-0.200436	0.899621
XLOC_014584	EP300	chr22:41488613-41576081	1.33698	1.16357	-0.200415	0.785794
XLOC_014929	THUMPD3	chr3:9404716-9428475	11.8024	10.2738	-0.200112	0.730432
XLOC_012979	FBXO41	chr2:73481809-73496758	6.48177	5.64245	-0.200068	0.745913
XLOC_015850	RPL24	chr3:101399933-101405563	4624.83	4026.03	-0.200044	0.751293
XLOC_022465	C9orf174	chr9:100000707-100139577	0.411394	0.358169	-0.199988	0.891828
XLOC_000010	AGRN	chr1:955502-991499	13.8827	12.0866	-0.199879	0.739297
XLOC_013254	TTC30A	chr2:178479025-178483694	0.123495	0.107519	-0.199867	1
XLOC_000084	FBXO44	chr1:11708417-11723384	21.1328	18.4014	-0.199666	0.738263
XLOC_005761	RSRC2	chr12:122989189-123011560	22.1011	19.2458	-0.199576	0.731357
XLOC_006740	CIDEB	chr14:24774392-24787242	1.69935	1.47982	-0.199564	0.940598
XLOC_001894	YY1AP1	chr1:155629232-155658823	19.5017	16.9833	-0.199484	0.743375
XLOC_022909	ISCA1	chr9:88879462-88897490	26.8018	23.3417	-0.199417	0.732054
XLOC_013058	ANKRD36B	chr2:98121260-98206428	0.299397	0.26075	-0.19939	1
XLOC_022152	TAF2	chr8:120743013-120845074	5.53184	4.81809	-0.199297	0.746108
XLOC_011399	ZNF266	chr19:9523101-9546254	9.01706	7.85395	-0.199239	0.740088
XLOC_008313	LUC7L	chr16:238969-279449	23.0165	20.0485	-0.199169	0.759668
XLOC_004975	DYRK2	chr12:68042511-68056444	3.28492	2.86136	-0.199158	0.765218
XLOC_012756	ING5	chr2:242641455-242668896	3.451	3.00637	-0.198991	0.783744
XLOC_001743	GDAP2	chr1:118406106-118472302	1.34265	1.16969	-0.198955	0.864624
XLOC_008923	MTRNR2L1	chr17:22022436-22023991	0.596248	0.519442	-0.198949	0.919547
XLOC_014612	PARVB	chr22:44395090-44565112	39.6481	34.5417	-0.198912	0.733086
XLOC_006344	KLHDC2	chr14:50234786-50249856	17.9097	15.6042	-0.198805	0.754724
XLOC_007941	SNN	chr16:11762288-11836648	7.74667	6.7499	-0.19871	0.857115
XLOC_003659	RAD9A	chr11:67159422-67169376	5.44879	4.74774	-0.198695	0.975484
XLOC_011479	SAMD1	chr19:14199228-14201232	49.6682	43.2804	-0.198609	0.756518
XLOC_002590	HECTD2	chr10:93066718-93371217	0.794704	0.692544	-0.19851	0.886581
XLOC_022056	ZNF704	chr8:81540685-81787016	0.369172	0.321724	-0.198471	1
XLOC_023588	SLC25A43	chrX:118533257-118588437	7.94972	6.92871	-0.198319	0.774294
XLOC_011160	TSEN34	chr19:54694118-54698394	56.0757	48.8746	-0.198292	0.725398
XLOC_008966	RNF135	chr17:29297955-29326929	6.59876	5.75143	-0.198275	0.804859
XLOC_006915	ALKBH1	chr14:78138748-78174356	4.61655	4.02384	-0.198243	0.790594
XLOC_022532	GSN	chr9:124030379-124095120	32.0424	27.9289	-0.198223	0.73849
XLOC_000252	CCDC28B	chr1:32666201-32670991	8.13466	7.09111	-0.198071	0.856226
XLOC_015605	PP2D1	chr3:19988571-20053765	0.0522608	0.0455644	-0.197823	1

XLOC_008126	MT1F	chr16:56691854-56693215	90.9661	79.312	-0.197789	0.785307
XLOC_003603	TM7SF2,VPS51	chr11:64863586-64883707	68.0553	59.3396	-0.197713	0.775056
XLOC_005586	ZFC3H1	chr12:72003378-72074428	1.57922	1.37717	-0.197499	0.816962
XLOC_007518	RHOV	chr15:41164411-41166487	6.19831	5.40627	-0.19724	0.831535
XLOC_000515	FNBP1L	chr1:93913687-94020218	4.74165	4.13584	-0.197209	0.765759
XLOC_005031	VEZT	chr12:95611521-95696566	6.05943	5.28537	-0.197178	0.748171
XLOC_006225	ANKRD10	chr13:111530886-111567416	8.15203	7.11106	-0.197095	0.780759
XLOC_006754	STRN3	chr14:31363004-31565656	4.46117	3.89171	-0.197018	0.788779
XLOC_005651	ARL1	chr12:101786902-101801572	15.3715	13.4094	-0.197014	0.734869
XLOC_024191	DNASE1L1	chrX:153626570-153650063	15.9857	13.9458	-0.196951	0.975492
XLOC_010811	ZNF146	chr19:36673186-36729675	16.3968	14.3045	-0.196944	0.730925
XLOC_004122	LGR4	chr11:27387507-27494334	1.18677	1.03547	-0.196756	0.834292
XLOC_019147	FBXO5	chr6:153291657-153304740	8.48254	7.40133	-0.196711	0.771653
XLOC_017897	RPS14	chr5:149823791-149829319	4713.99	4113.32	-0.196645	0.764196
XLOC_007358	GOLGA6L9	chr15:83098709-83108111	0.194093	0.169365	-0.196614	1
XLOC_002742	ACADSB	chr10:124768428-124817806	2.45998	2.14676	-0.196488	0.779038
XLOC_005401	SLC38A4	chr12:47158543-47219780	0.0383834	0.0334967	-0.196463	1
XLOC_002278	AKT3	chr1:243419306-244006886	1.4246	1.24324	-0.196443	0.806331
XLOC_007497	ZNF770	chr15:35270541-35280497	8.24661	7.19685	-0.196436	0.745796
XLOC_007455	WHAMMP3	chr15:23187728-23208357	0.179968	0.157059	-0.196429	1
XLOC_018526	HECA	chr6:139456248-139501946	4.49823	3.92596	-0.19631	0.762618
XLOC_004038	TPP1	chr11:6633996-6640692	32.6975	28.5383	-0.196279	0.736595
XLOC_007232	RNF111	chr15:59279864-59389618	2.2765	1.98701	-0.196224	0.783706
XLOC_004575	USP2	chr11:119225924-119252436	0.555088	0.484515	-0.196177	0.902819
XLOC_006792	RPS29	chr14:50044041-50053094	10577.4	9233.25	-0.19607	0.757708
XLOC_022322	NUDT2	chr9:34329503-34343711	51.5765	45.0246	-0.195999	0.755497
XLOC_015878	KIAA1407	chr3:113682983-113775460	0.380867	0.332504	-0.195917	0.891328
XLOC_021990	RB1CC1	chr8:53535017-53627026	6.00055	5.23872	-0.19588	0.748635
XLOC_019023	PDSS2	chr6:107473760-107780779	2.40474	2.09964	-0.195739	0.819558
XLOC_011088	ZNF808	chr19:53030908-53059303	0.569604	0.497354	-0.195685	0.883168
XLOC_010749	ZNF507	chr19:32836513-32878573	1.48732	1.29867	-0.195678	0.790722
XLOC_012405	TMEM37	chr2:120189445-120196096	0.243649	0.212806	-0.195266	1
XLOC_010365	MYO5B	chr18:47349155-47721451	1.02886	0.898632	-0.195239	0.81114
XLOC_010118	VAPA	chr18:9913954-9960018	17.4907	15.2779	-0.195137	0.733086
XLOC_021161	SAMD9	chr7:92728825-92747336	0.215311	0.188076	-0.19511	1
XLOC_006729	NRL	chr14:24549315-24553832	0.6153	0.537516	-0.194981	0.924931
XLOC_002350	OPTN	chr10:13142081-13180276	28.3207	24.7409	-0.194962	0.735353
XLOC_023105	C9orf114	chr9:131580778-131592100	32.9524	28.7876	-0.194934	0.759934
XLOC_021532	FZD3	chr8:28351721-28431785	1.40272	1.22553	-0.194827	0.773229
XLOC_003987	ART5	chr11:3659735-3663546	0.491025	0.429065	-0.1946	0.943077
XLOC_007183	CASC4	chr15:44580908-44707959	9.84278	8.60084	-0.194588	0.743283
XLOC_004087	CYP2R1	chr11:14899555-14913751	10.8034	9.44166	-0.194368	0.779141
XLOC_006937	FBLN5	chr14:92335754-92414046	2.59734	2.27008	-0.194288	0.84639
XLOC_006657	ZBTB42	chr14:105266932-105271048	4.58594	4.00913	-0.193928	0.8041
XLOC_019083	STX7	chr6:132778662-132834337	4.83745	4.23001	-0.193586	0.764773
XLOC_016416	AFF1	chr4:87856153-88062206	2.15235	1.8821	-0.193566	0.773085
XLOC_016503	LARP1B	chr4:128982502-129132289	5.13122	4.48715	-0.193502	0.787439
XLOC_009377	SCARF1	chr17:1537151-1549041	0.748319	0.654404	-0.193471	0.899621
XLOC_012811	C2orf43	chr2:20884817-21022827	3.00258	2.62601	-0.193333	0.81114

XLOC_007700	IMP3	chr15:75931425-75932664	128.213	112.139	-0.193265	0.739148
XLOC_017032	UFSP2	chr4:186317839-186347139	10.1996	8.92089	-0.19325	0.783744
XLOC_019096	HBS1L	chr6:135281516-135376036	5.92495	5.18271	-0.193097	0.773721
XLOC_004136	CD59	chr11:33724555-33758025	16.1249	14.105	-0.193081	0.741411
XLOC_011277	PCSK4	chr19:1481426-1490407	1.0642	0.930897	-0.19308	0.907121
XLOC_017583	ANKH	chr5:14704908-14871887	4.17204	3.64969	-0.192976	0.764456
XLOC_014930	SETD5	chr3:9439402-9519838	7.02744	6.14798	-0.192886	0.746653
XLOC_012157	PLEKHH2	chr2:43864438-43995126	0.006509	0.00569461	-0.192838	1
XLOC_002215	ACBD3	chr1:226332379-226374423	8.40112	7.35008	-0.192821	0.757708
XLOC_017744	TTC37	chr5:94799598-94890709	1.34188	1.17406	-0.192757	0.818403
XLOC_013485	SDCBP2-AS1	chr20:1290554-1373816	0.296445	0.25937	-0.192753	1
XLOC_008435	KIAA0430	chr16:15688225-15737023	1.72164	1.50636	-0.192718	0.795912
XLOC_008443	RPS15A	chr16:18794276-18801656	4838.6	4233.59	-0.192709	0.76395
XLOC_012670	SLC4A3	chr2:220492291-220506702	3.76705	3.29606	-0.192694	0.81699
XLOC_003327	SWAP70	chr11:9685627-9774507	5.89336	5.1574	-0.192446	0.762654
XLOC_018693	LOC100270746	chr6:26924771-26991753	2.49624	2.18465	-0.192357	0.915911
XLOC_001117	GGPS1	chr1:235491752-235507844	9.28529	8.12716	-0.192196	0.764196
XLOC_005596	OSBPL8	chr12:76745577-76953589	3.93431	3.44369	-0.192153	0.751304
XLOC_000266	ADC	chr1:33546713-33585995	3.56674	3.12197	-0.192147	0.852189
XLOC_015843	FILIP1L	chr3:99273152-99897476	2.9696	2.59933	-0.19213	0.934331
XLOC_020338	PSMG3-AS1	chr7:1609708-1629261	0.336205	0.294312	-0.191993	1
XLOC_000886	SUCO	chr1:172502259-172580973	2.83366	2.48068	-0.191932	0.781528
XLOC_008902	FBXW10	chr17:18647325-18682662	0.0486313	0.0425739	-0.191918	1
XLOC_023261	PRPS2	chrX:12809473-12842346	28.6873	25.1152	-0.191853	0.736178
XLOC_006389	HIF1A	chr14:62162118-62215807	2.11486	1.85157	-0.191812	0.926868
XLOC_007868	SLC9A3R2	chr16:2076868-2089027	39.9777	35.0012	-0.191793	0.752794
XLOC_004091	RPS13	chr11:17095938-17099220	3763.89	3295.57	-0.191698	0.76146
XLOC_022620	PRRC2B	chr9:134305476-134375575	19.9234	17.4451	-0.191638	0.736564
XLOC_012158	DYNC2LI1	chr2:44001177-44037149	12.7314	11.1479	-0.19161	0.783706
XLOC_014230	PRMT2	chr21:48055506-48085155	19.5222	17.0952	-0.191524	0.760301
XLOC_001422	MARCKSL1	chr1:32799429-32801840	254.216	222.648	-0.191293	0.746731
XLOC_001100	COG2	chr1:230778201-230829731	6.20889	5.43912	-0.19096	0.786446
XLOC_013133	MAP3K2	chr2:128056244-128100805	1.51539	1.32759	-0.190881	0.779038
XLOC_004430	KCTD21	chr11:77882297-77899664	0.946067	0.828832	-0.190864	0.880754
XLOC_007901	THOC6	chr16:3072625-3077756	140.421	123.022	-0.190842	0.870942
XLOC_003610	DPF2	chr11:65101224-65120451	28.4698	24.9441	-0.190732	0.748685
XLOC_023341	KDM6A	chrX:44732422-44971845	2.24375	1.96594	-0.190691	0.802567
XLOC_013825	PCED1A	chr20:2815960-3019315	15.4812	13.565	-0.190631	0.934331
XLOC_020388	SP4	chr7:21467688-21554151	0.570165	0.499601	-0.190601	0.86835
XLOC_000420	FGGY	chr1:59762624-60228402	8.76168	7.67904	-0.190282	0.802621
XLOC_023287	PHKA2-AS1	chrX:18908413-19002480	0.106483	0.0933257	-0.190282	1
XLOC_017769	MCC	chr5:112312406-112824527	0.0241704	0.0211855	-0.190164	1
XLOC_016439	METAP1	chr4:99916787-99983960	29.7398	26.0681	-0.190105	0.742915
XLOC_011004	NUCB1	chr19:49403306-49426540	107.124	93.9042	-0.190024	0.750681
XLOC_000415	LOC100507634	chr1:55681080-55683128	0.594355	0.521008	-0.19002	0.926279
XLOC_019104	IL20RA	chr6:137321107-137366298	0.801123	0.702292	-0.189953	0.879615
XLOC_002828	NMT2	chr10:15147770-15210695	3.77775	3.31188	-0.189876	0.780035
XLOC_001260	CASZ1	chr1:10696665-10856733	2.18373	1.91458	-0.189767	0.851662
XLOC_023433	RRAGB	chrX:55744109-55785207	3.00863	2.63784	-0.189746	0.844936

XLOC_014378	SSR4P1	chr21:46490870-46493126	0.573196	0.502565	-0.189717	0.919709
XLOC_018462	RWDD1	chr6:116892582-116914436	37.4923	32.8738	-0.189655	0.751293
XLOC_000530	AGL	chr1:100315639-100389579	1.71575	1.50444	-0.189621	0.798113
XLOC_008768	GSG2	chr17:3617918-3704537	3.42894	3.00663	-0.189617	0.891717
XLOC_021676	PDP1	chr8:94929082-94938296	5.67431	4.97662	-0.189281	0.774988
XLOC_005060	PARPBP	chr12:102513955-102591614	1.58623	1.39131	-0.18916	0.859937
XLOC_000085	FBXO6	chr1:11724149-11734409	15.1698	13.3059	-0.189132	0.79145
XLOC_005391	TWF1	chr12:44187525-44200178	28.4574	24.9631	-0.18901	0.74725
XLOC_007189	SORD	chr15:45315301-45367287	43.9517	38.5555	-0.188981	0.742598
XLOC_012440	LOC150776	chr2:132202795-132360468	8.95537	7.85621	-0.18892	0.944059
XLOC_017855	APBB3	chr5:139937852-139944189	7.87208	6.9059	-0.188914	0.810443
XLOC_021513	R3HCC1	chr8:23145611-23153792	46.1428	40.4829	-0.188796	0.751881
XLOC_018032	PRPF4B	chr6:4021568-4065217	2.97726	2.61207	-0.188789	0.7777
XLOC_013973	CHD6	chr20:40031169-40247133	1.29555	1.13678	-0.188618	0.802089
XLOC_020974	HOXA1	chr7:27132613-27135625	1.26185	1.10724	-0.188581	0.885634
XLOC_010877	AXL	chr19:41725107-41767671	214.736	188.453	-0.188362	0.759934
XLOC_018549	GINM1	chr6:149887527-149912067	14.3074	12.5567	-0.188309	0.790372
XLOC_006397	ZBTB1	chr14:64971291-65000408	4.35662	3.82352	-0.188308	0.785865
XLOC_023532	WBP5	chrX:102611379-102613397	46.6628	40.9551	-0.188229	0.756733
XLOC_016180	FAM193A	chr4:2627158-2734302	4.30288	3.77659	-0.18822	0.792996
XLOC_020419	PRR15	chr7:29603426-29606911	2.05291	1.80192	-0.188135	0.900642
XLOC_020839	ZNF212	chr7:148936741-148952700	8.3466	7.32628	-0.188108	0.787473
XLOC_021779	RHPN1	chr8:144451024-144466390	26.768	23.4963	-0.188075	0.762566
XLOC_011445	ZNF44	chr19:12382624-12405714	1.9673	1.72688	-0.188047	0.852179
XLOC_022149	SAMD12	chr8:119201694-119738306	1.70568	1.49727	-0.188008	0.79557
XLOC_003705	RELT	chr11:73087404-73108519	11.6446	10.2219	-0.18799	0.769834
XLOC_010976	SEPW1	chr19:48281841-48287943	188.279	165.28	-0.187955	0.75677
XLOC_009751	EZH1	chr17:40852292-40897071	4.13384	3.62926	-0.187808	0.79507
XLOC_008989	ZNF830	chr17:33288548-33290205	12.2434	10.7505	-0.187596	0.790436
XLOC_017130	NDUFS4	chr5:52856464-52979171	69.6877	61.1914	-0.187575	0.763798
XLOC_002407	ZNF33A	chr10:38299577-38348995	2.6504	2.32761	-0.187364	0.781103
XLOC_000842	UHMK1	chr1:162466963-162499419	10.7013	9.39808	-0.18735	0.756508
XLOC_016132	ACAP2	chr3:194995464-195163817	3.83974	3.37224	-0.187302	0.774237
XLOC_013522	CRLS1	chr20:5986738-6020697	17.0047	14.9351	-0.187222	0.748388
XLOC_010403	RTTN	chr18:67671042-67872962	0.8415	0.739098	-0.187197	0.848653
XLOC_021522	PPP2R2A	chr8:26149006-26230195	19.4489	17.0823	-0.187186	0.755993
XLOC_014848	TOB2	chr22:41829491-41843027	15.8639	13.9343	-0.18711	0.753039
XLOC_018960	SLC17A5	chr6:74303101-74363737	8.74737	7.68348	-0.187088	0.77663
XLOC_004263	EML3	chr11:62369690-62382592	19.2285	16.8899	-0.187078	0.774876
XLOC_005071	KIAA1033	chr12:105501491-105562906	2.56358	2.25211	-0.186882	0.79557
XLOC_008338	IFT140	chr16:1543351-1662109	4.97593	4.37151	-0.186835	0.929808
XLOC_015768	TKT	chr3:53258722-53290130	293.288	257.666	-0.186814	0.758199
XLOC_000893	ZBTB37	chr1:173837492-173855774	0.222026	0.195061	-0.186803	1
XLOC_017891	TIGD6	chr5:149372685-149432706	1.07016	0.940389	-0.186495	0.968703
XLOC_013010	TRABD2A	chr2:85048795-85108252	18.1187	15.9229	-0.186377	0.784561
XLOC_021001	DPY19L1P1	chr7:32535175-32758780	0.618679	0.543717	-0.186335	0.964628
XLOC_005046	APAF1	chr12:99039077-100378432	1.45904	1.28228	-0.186304	0.877848
XLOC_010942	CD3EAP	chr19:45882891-45927177	2.11794	1.86139	-0.186277	0.929058
XLOC_009249	AMZ2	chr17:66244144-66253305	49.1421	43.1915	-0.186211	0.756508

XLOC_009598	CRLF3	chr17:29109701-29151778	6.29652	5.53426	-0.186163	0.785473
XLOC_008592	KIFC3	chr16:57792128-57836439	45.0003	39.556	-0.186037	0.752083
XLOC_014893	CERK	chr22:47080306-47134152	12.1774	10.7042	-0.186028	0.764456
XLOC_014124	BACH1	chr21:30671219-30734217	2.82721	2.48521	-0.186012	0.79183
XLOC_015046	ZBTB47	chr3:42695175-42709072	1.84154	1.61883	-0.185965	0.840893
XLOC_021512	CHMP7	chr8:23101149-23119512	18.5331	16.2918	-0.185958	0.764456
XLOC_004328	RNASEH2C	chr11:65479472-65488409	21.101	18.5493	-0.185946	0.819558
XLOC_014681	C22orf29,GNB1L	chr22:19775933-19842462	14.2162	12.4984	-0.185798	0.891105
XLOC_013235	OLA1	chr2:174937174-175113365	49.2441	43.2942	-0.185775	0.756518
XLOC_003102	POLL	chr10:103338638-103348027	22.1437	19.4689	-0.185725	0.767223
XLOC_011758	EML2	chr19:46112657-46148775	15.9644	14.0361	-0.185713	0.832407
XLOC_009250	ARSG	chr17:66255322-66417000	0.844384	0.742439	-0.185627	0.931798
XLOC_002058	ACBD6	chr1:180257351-180472022	34.1015	29.9843	-0.185626	0.7704
XLOC_017328	C5orf24	chr5:134181369-134195425	5.94845	5.23052	-0.18556	0.77012
XLOC_009068	STAT5A	chr17:40439564-40463960	8.84501	7.7777	-0.185519	0.774294
XLOC_022204	JRK	chr8:143738873-143751401	7.19254	6.32496	-0.185445	0.814529
XLOC_004796	KIAA1551	chr12:32112352-32146043	0.781371	0.687138	-0.185408	0.861006
XLOC_018999	MAP3K7	chr6:91223291-91297020	5.93136	5.21617	-0.185372	0.76721
XLOC_005451	POU6F1	chr12:51580718-51611477	1.6888	1.48522	-0.18532	0.83652
XLOC_002535	ZMIZ1	chr10:80828791-81076285	2.13763	1.88006	-0.185229	0.815686
XLOC_005127	PEBP1	chr12:118573869-118583390	173.752	152.817	-0.185225	0.761687
XLOC_023749	PNPLA4	chrX:7866803-7895780	9.27921	8.16119	-0.185223	0.779175
XLOC_015485	POLR2H	chr3:184081193-184086363	234.403	206.171	-0.18515	0.757708
XLOC_000249	TMEM39B	chr1:32538502-32568467	17.5596	15.445	-0.185118	0.79183
XLOC_011225	ZNF419	chr19:57999078-58006048	2.6074	2.29385	-0.184839	0.844936
XLOC_001044	VASH2	chr1:213123886-213164927	0.486554	0.428076	-0.184734	0.896706
XLOC_009805	SCRN2	chr17:45908992-45918699	43.9198	38.6426	-0.184679	0.773721
XLOC_020331	SUN1	chr7:855193-914557	16.2281	14.2791	-0.184592	0.763379
XLOC_005457	KRT80	chr12:52562779-52585784	0.536492	0.47206	-0.184585	0.91015
XLOC_005824	RPL21	chr13:27825691-27830702	4097.89	3605.86	-0.184538	0.781758
XLOC_021573	VDAC3	chr8:42249278-42263455	109.746	96.5702	-0.184516	0.756508
XLOC_012122	YPEL5	chr2:30369749-30383399	16.9955	14.9561	-0.184422	0.771688
XLOC_012565	GLS	chr2:191745546-191830270	11.0058	9.68528	-0.184394	0.767216
XLOC_007165	MAPKBP1	chr15:42066631-42120053	2.60049	2.28853	-0.184361	0.806275
XLOC_006662	BTBD6	chr14:105675622-105864484	46.1861	40.6468	-0.184317	0.869162
XLOC_003334	USP47	chr11:11862969-11980872	5.99304	5.27442	-0.184275	0.764196
XLOC_021157	KRIT1	chr7:91828282-91875414	4.34383	3.82304	-0.184247	0.783706
XLOC_023166	SDCCAG3	chr9:139296373-139305054	111.29	97.9515	-0.184178	0.756508
XLOC_002377	BMI1,COMMD3,C	chr10:22605311-22620414	81.1598	71.4349	-0.184137	0.831834
XLOC_006714	CDH24	chr14:23516269-23526747	9.42358	8.29449	-0.184122	0.800138
XLOC_022397	PCSK5	chr9:78505559-78977255	1.52479	1.34216	-0.184057	0.875961
XLOC_009613	CCT6B	chr17:33254877-33288528	1.75056	1.54094	-0.184005	0.879418
XLOC_020461	STK17A	chr7:43622691-43666978	6.81139	5.99595	-0.183961	0.779476
XLOC_000591	RAP1A	chr1:112162404-112256101	21.2453	18.703	-0.183876	0.765759
XLOC_006764	SNX6	chr14:35030617-35099366	25.5435	22.4869	-0.183868	0.755093
XLOC_007584	GNB5	chr15:52413122-52483565	8.22688	7.24295	-0.183768	0.785538
XLOC_006868	ACTN1	chr14:69340839-69446083	71.7666	63.1889	-0.18364	0.765267
XLOC_017940	PANK3	chr5:167982627-168006614	3.75368	3.30508	-0.183621	0.809535
XLOC_021577	FNTA	chr8:42911441-42940932	59.0688	52.0099	-0.183611	0.759934

XLOC_002962	HERC4	chr10:69681655-69835103	5.89419	5.19035	-0.183462	0.773721
XLOC_012660	STK16	chr2:220110191-220136910	11.5589	10.179	-0.183413	0.921452
XLOC_011262	SHC2	chr19:416582-460996	17.734	15.6177	-0.183336	0.795382
XLOC_006301	GMPR2	chr14:24701647-24708447	42.0761	37.0572	-0.183246	0.757708
XLOC_004952	TSPAN31	chr12:58138783-58146230	7.58171	6.67772	-0.183168	0.978818
XLOC_010052	DCXR	chr17:79993756-79995573	235.626	207.536	-0.183136	0.765759
XLOC_018331	ENPP4	chr6:46097700-46114436	1.58741	1.39829	-0.183011	0.836478
XLOC_010503	TNFAIP8L1	chr19:4639526-4655580	6.40986	5.64641	-0.18296	0.794882
XLOC_016093	EHHADH	chr3:184880688-184971886	0.629937	0.554918	-0.182934	0.886331
XLOC_014563	APOBEC3C	chr22:39410264-39414825	15.1531	13.3503	-0.182742	0.82094
XLOC_010770	ZNF302	chr19:35168566-35177302	4.328	3.81312	-0.182727	0.810757
XLOC_004914	DGKA	chr12:56324945-56347807	10.3139	9.0872	-0.182687	0.783261
XLOC_016853	ADH5	chr4:99992129-100009931	47.3689	41.7351	-0.18268	0.7667
XLOC_002644	PAX2	chr10:102505467-102589698	1.85872	1.63774	-0.182602	0.875692
XLOC_005139	DYNLL1	chr12:120907659-120936298	296.264	261.045	-0.182586	0.774876
XLOC_014386	LSS	chr21:47608359-47648738	14.5505	12.8212	-0.182538	0.772902
XLOC_014989	OXSM	chr3:25831562-25836025	18.3267	16.1491	-0.182498	0.797341
XLOC_010588	C19orf52	chr19:11039423-11040916	17.8481	15.7276	-0.182477	0.813026
XLOC_017615	C5orf42	chr5:37106329-37249530	0.174769	0.154011	-0.182411	1
XLOC_011554	GMIP	chr19:19740284-19754455	15.763	13.8911	-0.182375	0.775619
XLOC_010991	EMP3	chr19:48828628-48833810	167.366	147.502	-0.182275	0.757708
XLOC_003338	TEAD1	chr11:12695968-12966284	4.56724	4.02528	-0.182235	0.770389
XLOC_022148	EXT1	chr8:118811601-119124058	12.6472	11.147	-0.182159	0.774876
XLOC_004629	ZBTB44	chr11:130096573-130184607	2.75251	2.42603	-0.182152	0.779476
XLOC_023046	RAB14	chr9:123940414-123964365	22.0507	19.4355	-0.182129	0.756556
XLOC_000471	NEXN	chr1:78354199-78409578	0.0134228	0.0118315	-0.182057	1
XLOC_022633	RPL7A	chr9:136215068-136218280	11596.1	10221.6	-0.182019	0.846896
XLOC_003075	MMS19	chr10:99218080-99258366	22.5798	19.9038	-0.181986	0.764196
XLOC_019109	PERP	chr6:138409641-138428660	30.6705	27.0378	-0.181873	0.764456
XLOC_021224	VGFB	chr7:100805789-100808852	29.6654	26.1526	-0.181824	0.788779
XLOC_007015	GOLGA8S	chr15:23599894-23613471	0.304613	0.268547	-0.181805	1
XLOC_012847	FNDC4	chr2:27714749-27718126	11.6612	10.2808	-0.181771	0.816944
XLOC_017965	RNF44	chr5:175953699-175964421	9.74337	8.59127	-0.181548	0.785866
XLOC_007133	SPRED1	chr15:38545051-38649450	3.56416	3.14276	-0.181531	0.783706
XLOC_010756	GPATCH1	chr19:33571785-33621318	1.87717	1.6553	-0.181467	0.859197
XLOC_021678	DPY19L4	chr8:95732102-95806076	4.58343	4.04204	-0.181343	0.778822
XLOC_013750	FAM217B	chr20:58508818-58523702	2.04231	1.80121	-0.181234	0.863535
XLOC_007286	ARIH1	chr15:72766666-72878896	9.51323	8.39021	-0.181229	0.768938
XLOC_023884	PHF8	chrX:53963112-54071569	7.7853	6.86627	-0.181227	0.772942
XLOC_005962	RAP2A	chr13:98086474-98120252	3.1896	2.81331	-0.181107	0.80916
XLOC_011509	EPS15L1	chr19:16466054-16582823	13.4215	11.8401	-0.180857	0.775951
XLOC_011250	ZNF324	chr19:58978411-58984945	4.61914	4.07509	-0.180794	0.827081
XLOC_003003	ZSWIM8-AS1	chr10:75545381-75561556	3.46377	3.05608	-0.180658	0.952184
XLOC_005661	NT5DC3	chr12:104166080-104234975	2.82119	2.48918	-0.180633	0.795382
XLOC_007648	RPL4	chr15:66791652-66797193	3594.68	3171.8	-0.180561	0.804859
XLOC_023022	WDR31	chr9:116077930-116102620	0.388335	0.342672	-0.180472	0.920464
XLOC_002200	TLR5	chr1:223282747-223316624	0.0241913	0.0213482	-0.180369	1
XLOC_021583	KIAA0146	chr8:48173488-48648563	8.54092	7.53816	-0.18018	0.794882
XLOC_007913	ZNF174	chr16:3451189-3459364	4.03338	3.56016	-0.180046	0.861253

XLOC_014606	BIK	chr22:43506753-43525718	6.45851	5.7012	-0.179935	0.878923
XLOC_000075	KIF1B	chr1:10270763-10441661	3.90734	3.44921	-0.179921	0.779038
XLOC_015836	MINA	chr3:97540883-97691295	8.03181	7.09029	-0.179881	0.784296
XLOC_022107	MTERFD1	chr8:97251644-97273796	33.8166	29.8545	-0.179783	0.773016
XLOC_017701	COL4A3BP	chr5:74666927-74895646	4.9262	4.3491	-0.179758	0.818403
XLOC_003107	MGEA5	chr10:103544199-103578222	21.6597	19.1228	-0.179722	0.763718
XLOC_024040	RNF113A	chrX:119004494-119010629	33.6452	29.7049	-0.1797	0.914757
XLOC_007551	SERINC4	chr15:44038589-44094769	1.4964	1.32117	-0.179685	0.983174
XLOC_004979	MDM2	chr12:69201970-69239320	14.6201	12.9097	-0.179495	0.76946
XLOC_016182	ADD1	chr4:2845583-2931802	20.0135	17.6728	-0.179438	0.765718
XLOC_023782	CXorf23	chrX:19930979-19988382	0.450937	0.398204	-0.179419	0.882208
XLOC_021279	CTTNBP2	chr7:117350705-117513561	0.619394	0.546984	-0.179359	0.877043
XLOC_009646	LOC440434	chr17:36351795-36413256	9.66672	8.53708	-0.179284	0.812322
XLOC_003800	ACAT1	chr11:107992257-108018891	52.9828	46.7956	-0.179151	0.764456
XLOC_017962	KIAA1191	chr5:175773065-175788809	32.0639	28.3212	-0.179067	0.765908
XLOC_000131	NECAP2	chr1:16767166-16786584	23.8725	21.0875	-0.178967	0.77012
XLOC_012634	RPL37A	chr2:217363519-217366188	11179.5	9875.39	-0.178952	0.800869
XLOC_004085	COPB1	chr11:14479048-14521441	22.3972	19.7845	-0.178947	0.767049
XLOC_018439	CEP57L1	chr6:109416355-109485115	1.67587	1.48048	-0.178841	0.866938
XLOC_007245	USP3	chr15:63796709-63894620	9.64357	8.52024	-0.178672	0.775892
XLOC_004297	MACROD1	chr11:63766029-63933585	97.9614	86.5517	-0.178651	0.777831
XLOC_015488	VPS8	chr3:184529930-184770402	3.44159	3.04103	-0.178518	0.797588
XLOC_005097	FAM216A	chr12:110890290-110928192	35.1264	31.0436	-0.178257	0.865084
XLOC_010735	ZNF492	chr19:22817125-22850472	0.00653828	0.00577841	-0.178239	1
XLOC_000912	CEP350	chr1:179923907-180084015	1.21164	1.0709	-0.178141	0.800722
XLOC_009920	LOC146880	chr17:62745779-62778117	11.1006	9.8118	-0.178051	0.831834
XLOC_022289	CNTLN	chr9:17135037-17503917	1.06826	0.944282	-0.177978	0.85718
XLOC_017030	KIAA1430	chr4:186080818-186125182	9.70784	8.58156	-0.177911	0.774911
XLOC_016207	TBC1D14	chr4:6911170-7059677	1.00223	0.886071	-0.177717	0.971528
XLOC_013149	CCDC115	chr2:131095815-131099922	16.0081	14.1528	-0.177712	0.802089
XLOC_022507	HSDL2	chr9:115142188-115234685	19.2635	17.0315	-0.177671	0.775517
XLOC_013629	PHF20	chr20:34359922-34538288	3.04567	2.69305	-0.177522	0.803409
XLOC_023526	GPRASP1	chrX:101854095-101972661	0.11917	0.105382	-0.17739	1
XLOC_023069	NR6A1	chr9:127284702-127533576	0.721636	0.638208	-0.177244	0.924456
XLOC_006815	DDHD1	chr14:53503457-53620046	1.37471	1.2161	-0.176872	0.80606
XLOC_006711	AJUBA	chr14:23440409-23451848	12.3357	10.9129	-0.176808	0.780964
XLOC_005964	FARP1	chr13:98795433-99102023	13.0634	11.5574	-0.176713	0.77849
XLOC_009354	HEXDC	chr17:80347085-80408707	3.06264	2.70977	-0.176607	0.970539
XLOC_007329	DNAJA4	chr15:78556486-78574538	5.55453	4.91455	-0.176606	0.814132
XLOC_022042	SBSPON	chr8:73976777-74005507	0.249744	0.220975	-0.176572	1
XLOC_021021	VPS41	chr7:38763542-38948800	2.81417	2.49006	-0.176534	0.818403
XLOC_011403	ZNF561	chr19:9718001-9731916	4.655	4.11889	-0.176523	0.796442
XLOC_005222	DCP1B	chr12:2055213-2113677	9.64977	8.53851	-0.17651	0.805817
XLOC_023378	CCDC120	chrX:48910960-48927510	0.316397	0.279962	-0.176504	1
XLOC_000262	RBBP4	chr1:33116748-33168361	7.68723	6.80275	-0.176346	0.889122
XLOC_002238	C1orf198	chr1:230972864-231005335	9.14356	8.09192	-0.176274	0.787439
XLOC_011243	ZNF8	chr19:58790317-58807254	2.29734	2.03314	-0.176251	0.876977
XLOC_004536	USP28	chr11:113668596-113746256	4.65471	4.11966	-0.176167	0.794913
XLOC_016406	ENOPH1	chr4:83351725-83382244	18.8009	16.6411	-0.176054	0.784985

XLOC_021457	TNKS	chr8:9413444-9639856	3.57322	3.1628	-0.176024	0.781658
XLOC_003020	ANXA11	chr10:81914879-81965328	67.5693	59.809	-0.176007	0.778819
XLOC_020589	RUNDC3B	chr7:87133178-87461613	0.00789075	0.00698456	-0.175993	1
XLOC_010686	RPL18A	chr19:17970686-17974133	5974.07	5288.31	-0.175908	0.797588
XLOC_000064	SLC45A1	chr1:8384389-8404227	3.41073	3.01981	-0.175621	0.877654
XLOC_005515	MMP19	chr12:56211805-56236767	2.1081	1.86649	-0.175614	0.962935
XLOC_004731	ETV6	chr12:11802787-12079107	1.86491	1.6513	-0.175507	0.838244
XLOC_023109	CRAT	chr9:131857072-131873070	84.0008	74.3804	-0.175481	0.772902
XLOC_017206	SCAMP1	chr5:77656338-77776562	6.45047	5.71177	-0.175468	0.777535
XLOC_009660	CACNB1	chr17:37329708-37353956	4.86606	4.30911	-0.175363	0.830244
XLOC_005367	ERGIC2	chr12:29493578-29534143	17.6062	15.5912	-0.175347	0.784528
XLOC_001657	LOC100131564	chr1:93775665-93811368	0.42779	0.378848	-0.175284	0.906934
XLOC_021354	KIAA1147	chr7:141356527-141401953	4.36826	3.86961	-0.17487	0.7898
XLOC_003390	TCP11L1	chr11:33060962-33095109	3.62111	3.20777	-0.174862	0.845191
XLOC_018363	ZNF451	chr6:56954807-57035098	3.58192	3.17308	-0.174852	0.808807
XLOC_017437	SAP30L	chr5:153825516-153840613	2.64753	2.34551	-0.174747	0.821796
XLOC_017775	TICAM2, TMED7, T	chr5:114914338-114961876	14.4702	12.8199	-0.1747	0.782739
XLOC_000603	AP4B1-AS1	chr1:114356432-114447741	0.0930332	0.0824233	-0.174695	1
XLOC_018547	TAB2	chr6:149639435-149732747	8.5316	7.55862	-0.174693	0.780135
XLOC_022402	VPS13A	chr9:79791671-80032399	1.36912	1.21303	-0.174626	0.81109
XLOC_004076	ZBED5	chr11:10874250-10879620	10.5674	9.36297	-0.174587	0.79183
XLOC_014629	GTSE1	chr22:46692637-46726707	9.8477	8.72586	-0.174489	0.806275
XLOC_008963	SUZ12P1	chr17:29036625-29097068	4.33637	3.84272	-0.174361	0.898731
XLOC_009744	STAT5B	chr17:40351194-40428424	8.76768	7.77052	-0.174185	0.783938
XLOC_002430	ZNF22	chr10:45493145-45500777	9.09876	8.06404	-0.174167	0.810769
XLOC_007611	ANXA2	chr15:60639349-60690185	666.476	590.73	-0.174053	0.79183
XLOC_005773	RILPL1	chr12:123955908-124018265	9.6054	8.51406	-0.173998	0.809839
XLOC_017269	YTHDC2	chr5:112849390-112930984	2.07052	1.83538	-0.173912	0.825017
XLOC_021549	PROSC	chr8:37620100-37637286	29.6979	26.3296	-0.173678	0.776524
XLOC_017266	APC	chr5:112043201-112181936	0.936678	0.830488	-0.173594	0.831535
XLOC_003587	PLCB3	chr11:64018994-64036924	22.4223	19.8822	-0.173457	0.780526
XLOC_006153	DACH1	chr13:72012097-72441330	0.199227	0.176664	-0.173404	1
XLOC_017167	MARVELD2	chr5:68710938-68737890	0.500826	0.444138	-0.173302	0.926251
XLOC_014535	APOL1	chr22:36649116-36663577	0.0868666	0.0770359	-0.173271	1
XLOC_008424	ZC3H7A	chr16:11844441-11891114	5.14729	4.56524	-0.173122	0.807527
XLOC_010551	RPS28	chr19:8386383-8387280	7371.97	6539.26	-0.172923	0.801178
XLOC_022428	SECISBP2	chr9:91933411-91974561	7.72607	6.85373	-0.172847	0.79984
XLOC_020395	GNPMB	chr7:23286315-23314729	0.120741	0.10711	-0.17282	1
XLOC_015838	CLDND1	chr3:98234316-98241910	22.4951	19.9568	-0.172735	0.789544
XLOC_005751	KDM2B	chr12:121866899-122018920	8.72557	7.74138	-0.172658	0.785307
XLOC_005087	ACACB	chr12:109577201-109706030	0.367763	0.326289	-0.172625	1
XLOC_007556	SPG11	chr15:44829265-44955876	3.87196	3.43551	-0.172539	0.906423
XLOC_013787	SLC2A4RG	chr20:62371210-62436856	55.5994	49.3328	-0.172522	0.802089
XLOC_022920	SEMA4D	chr9:91975705-92094611	7.76437	6.88967	-0.172435	0.802416
XLOC_012228	PCYOX1	chr2:70485230-70508317	5.36662	4.76234	-0.172345	0.802416
XLOC_012328	LIPT1	chr2:99771417-99779613	7.87419	6.98767	-0.17232	0.83652
XLOC_018755	HLA-B	chr6:31321648-31324989	460.548	408.705	-0.172291	0.783706
XLOC_021756	PHF20L1	chr8:133787603-133861052	3.3633	2.9849	-0.172193	0.832459
XLOC_012744	RNPEPL1	chr2:241508003-241518149	45.8945	40.7345	-0.172071	0.779242

XLOC_014102	USP25	chr21:17102495-17252377	3.82714	3.39691	-0.172046	0.803014
XLOC_007780	CIB1	chr15:90773476-90777279	194.475	172.621	-0.171978	0.779038
XLOC_000969	IPO9	chr1:201798287-201853422	5.27501	4.68234	-0.171943	0.783706
XLOC_013224	FASTKD1	chr2:170386262-170430424	10.0634	8.93277	-0.171939	0.80005
XLOC_020986	JAZF1	chr7:27870192-28280996	2.05963	1.82828	-0.171894	0.863994
XLOC_007679	LOXL1-AS1	chr15:74209808-74244478	1.30683	1.16006	-0.171865	0.947962
XLOC_005570	GRIP1	chr12:66741210-67072925	0.349405	0.310165	-0.171863	1
XLOC_007983	METTL9	chr16:21610855-21668792	26.1094	23.1788	-0.171765	0.783294
XLOC_004175	KBTBD4	chr11:47586981-47606115	7.35152	6.52639	-0.171757	0.954501
XLOC_011495	ILVBL	chr19:15218213-15236577	40.6927	36.1271	-0.171691	0.781034
XLOC_022373	KGFLP1	chr9:46687556-46746820	0.274248	0.243492	-0.171605	1
XLOC_017714	MTX3	chr5:79272538-79287088	1.37429	1.22029	-0.171467	0.836107
XLOC_015586	XPC	chr3:14186647-14220172	12.0853	10.732	-0.171325	0.791355
XLOC_012541	UBE2E3	chr2:181845111-181928150	48.71	43.258	-0.17125	0.782309
XLOC_009245	BPTF	chr17:65821779-65980494	1.60329	1.42391	-0.171118	0.813843
XLOC_012194	REL	chr2:61108751-61150178	0.196348	0.174388	-0.171116	1
XLOC_009392	METTL16	chr17:2319347-2415200	5.12743	4.55419	-0.171041	0.797899
XLOC_012245	STAMBP	chr2:74056042-74094295	6.21568	5.52082	-0.171028	0.79183
XLOC_021200	ZNF3	chr7:99647416-99679371	19.7523	17.5451	-0.170959	0.823716
XLOC_006958	DICER1	chr14:95552564-95623759	1.73073	1.53737	-0.170913	0.808394
XLOC_013555	INSM1	chr20:20348764-20351592	0.234235	0.208076	-0.170846	1
XLOC_007722	CTSH	chr15:79214091-79237420	18.8136	16.7131	-0.170795	0.810133
XLOC_015099	WDR6	chr3:49044636-49060926	28.1647	25.0206	-0.17077	0.885883
XLOC_022641	CACFD1	chr9:136325086-136335909	5.10614	4.53651	-0.170649	0.852179
XLOC_011376	FLJ22184	chr19:7933604-7939326	12.724	11.3047	-0.170633	0.806275
XLOC_001671	FRRS1	chr1:100111430-100231349	0.463363	0.411706	-0.170528	0.925405
XLOC_003975	KCNQ1OT1	chr11:2466220-2870340	0.0660832	0.0587201	-0.170429	1
XLOC_009810	CBX1	chr17:46147413-46178883	47.5287	42.2357	-0.170336	0.782309
XLOC_010165	RNF125	chr18:29598444-29653154	2.15863	1.91827	-0.170307	0.836427
XLOC_014691	RIMBP3	chr22:20455993-20461786	0.0420125	0.0373376	-0.17019	1
XLOC_024157	CD99L2	chrX:149934808-150067289	6.34138	5.63615	-0.170087	0.817192
XLOC_001817	POGZ	chr1:151375199-151431941	4.87036	4.32876	-0.170075	0.796783
XLOC_017158	SREK1	chr5:65440045-65479444	3.98978	3.54633	-0.169982	0.800138
XLOC_016761	UBA6	chr4:68481478-68566889	6.64054	5.90284	-0.169891	0.789321
XLOC_012249	BOLA3-AS1	chr2:74375107-74379516	3.33723	2.96654	-0.169867	0.952355
XLOC_020561	NSUN5P1	chr7:75039623-75115568	8.18463	7.27557	-0.169857	0.945597
XLOC_008913	ALDH3A2	chr17:19552063-19580908	8.2467	7.33149	-0.169711	0.804694
XLOC_000570	GSTM4	chr1:110198697-110208123	13.9151	12.3709	-0.169706	0.828968
XLOC_002209	ENAH	chr1:225674533-225840845	3.84768	3.4208	-0.169657	0.790277
XLOC_012097	ATRAID	chr2:27422454-27440046	110.03	97.8259	-0.169613	0.86876
XLOC_014912	CHKB,CPT1B	chr22:51007289-51021428	17.2579	15.3445	-0.169533	0.827363
XLOC_018811	RLG2	chr6:33259430-33267165	25.7548	22.8995	-0.169529	0.784457
XLOC_018333	TDRD6	chr6:46655611-46703430	0.0365649	0.0325154	-0.169335	1
XLOC_015455	PIK3CA	chr3:178866310-178952497	1.28839	1.14586	-0.169147	0.871917
XLOC_008907	EPN2	chr17:19140689-19240028	9.56426	8.50617	-0.169144	0.802119
XLOC_023128	TSC1	chr9:135766734-135820020	4.01614	3.57201	-0.169074	0.79833
XLOC_018880	PEX6	chr6:42928499-42946981	7.03035	6.25306	-0.169035	0.820202
XLOC_004911	GDF11	chr12:56137063-56211540	4.59143	4.08403	-0.168951	0.913104
XLOC_010018	SGSH	chr17:78143790-78194199	16.8698	15.006	-0.168909	0.804859

XLOC_014340	RIPK4	chr21:43159528-43187249	0.0249917	0.0222318	-0.168824	1
XLOC_010492	PIAS4	chr19:4007748-4038067	10.2687	9.13504	-0.168769	0.844936
XLOC_004396	STARD10	chr11:72465773-72504750	29.3799	26.1373	-0.168719	0.79796
XLOC_015999	TM4SF1	chr3:149086804-149095568	68.3611	60.8276	-0.168449	0.785865
XLOC_015876	KIAA2018	chr3:113367232-113415493	0.539194	0.479866	-0.168174	0.858729
XLOC_022296	FOCAD	chr9:20658308-20995954	2.14028	1.90487	-0.168107	0.831834
XLOC_013391	WDFY1	chr2:224740064-224810052	4.83246	4.30125	-0.168	0.809839
XLOC_014388	C21orf58	chr21:47721046-47743785	1.56025	1.3888	-0.167934	0.900642
XLOC_007810	MPG	chr16:127017-188697	197.418	175.732	-0.167872	0.870063
XLOC_018852	SAYS1	chr6:39071839-39082865	4.11594	3.66413	-0.167755	0.865674
XLOC_009982	EVPL	chr17:74002926-74023507	5.19276	4.62296	-0.167686	0.824756
XLOC_023375	HDAC6	chrX:48660486-48683380	1.97776	1.76076	-0.16767	0.868932
XLOC_015443	PRKCI	chr3:169940219-170023770	8.04531	7.16271	-0.167644	0.795912
XLOC_012623	RPE	chr2:210867351-211036051	6.0015	5.34377	-0.167466	0.900034
XLOC_015748	RPL29	chr3:52027643-52029958	5747.94	5118.29	-0.167381	0.818631
XLOC_021039	NUDCD3	chr7:44421964-44530385	12.5148	11.1447	-0.167283	0.798113
XLOC_015559	LHFPL4	chr3:9540044-9595486	1.2167	1.08351	-0.167267	0.884126
XLOC_003861	HINFP	chr11:118992232-119005765	10.4151	9.27616	-0.16708	0.825017
XLOC_007843	SOX8	chr16:1031807-1036979	17.6542	15.7238	-0.167058	0.80614
XLOC_015282	NDUFB4	chr3:120315127-120321258	263.238	234.455	-0.167055	0.789703
XLOC_012810	HS1BP3	chr2:20817563-20850864	20.259	18.0439	-0.16705	0.80416
XLOC_000284	ADPRHL2	chr1:36554452-36559533	36.4635	32.4769	-0.167038	0.799656
XLOC_023466	OGT	chrX:70430034-70948962	17.4799	15.5697	-0.16696	0.949
XLOC_004030	FAM160A2	chr11:6232563-6255941	9.47017	8.43557	-0.166905	0.8146
XLOC_006801	L2HGDH	chr14:50709151-50778947	2.99056	2.66405	-0.166791	0.82411
XLOC_012994	PCGF1	chr2:74724643-74734821	18.25	16.2578	-0.166766	0.908661
XLOC_000282	AGO3	chr1:36396682-36522063	1.30335	1.16108	-0.166748	0.880754
XLOC_002319	PFKP	chr10:3109711-3178997	85.9535	76.5748	-0.166687	0.786155
XLOC_003584	DNAJC4	chr11:63997752-64001753	21.159	18.8504	-0.166672	0.836398
XLOC_022398	RPSAP9	chr9:79013514-79014954	9.61441	8.56562	-0.16664	0.839812
XLOC_001108	NTPCR	chr1:233086369-233114219	41.9282	37.3566	-0.166558	0.812769
XLOC_007672	CELF6	chr15:72577067-72612525	0.895549	0.797922	-0.166523	0.911799
XLOC_006763	EAPP	chr14:34985134-35008943	23.8889	21.2869	-0.166373	0.80614
XLOC_015913	ITGB5	chr3:124481794-124606144	24.5062	21.8378	-0.166318	0.795726
XLOC_004423	PAK1	chr11:77033059-77185108	20.4137	18.1919	-0.166245	0.785865
XLOC_020412	HOTTIP	chr7:27240039-27246130	0.0803717	0.0716282	-0.166159	1
XLOC_009889	USP32	chr17:58254690-58469586	3.71345	3.30961	-0.166096	0.804694
XLOC_003858	VPS11	chr11:118938492-118952688	11.1938	9.977	-0.166025	0.804948
XLOC_020922	EIF2AK1	chr7:6048881-6098860	29.8297	26.5889	-0.165929	0.802177
XLOC_005331	WBP11	chr12:14939411-14956401	26.5925	23.7034	-0.165927	0.791197
XLOC_010361	C18orf32,RPL17,F	chr18:47007547-47018935	4176.06	3722.41	-0.165904	0.824472
XLOC_019188	RNASSET2	chr6:167343003-167370077	55.8899	49.8196	-0.165874	0.802799
XLOC_003976	CDKN1C	chr11:2904447-2906995	11.6827	10.4142	-0.16582	0.8626
XLOC_008952	TAOK1	chr17:27717942-27878921	3.45376	3.07898	-0.165718	0.801665
XLOC_001097	RAB4A,SPHAR	chr1:229406808-229441640	9.74039	8.68399	-0.165621	0.814388
XLOC_003664	AIP	chr11:67250504-67258579	59.3463	52.9136	-0.165522	0.802621
XLOC_022721	RANBP6	chr9:6011018-6015640	4.91046	4.37831	-0.165483	0.818403
XLOC_005648	GOLGA2P5	chr12:100550174-100567121	1.35868	1.21152	-0.165381	0.901045
XLOC_008040	ASPHD1	chr16:29912146-29917377	33.5753	29.9405	-0.165302	0.810299

XLOC_008251	PLCG2	chr16:81812898-81991899	3.04652	2.71678	-0.165261	0.84703
XLOC_013657	DHX35	chr20:37590980-37668366	3.61908	3.22751	-0.165199	0.852179
XLOC_016094	TMEM41A	chr3:185207388-185216845	8.75846	7.8109	-0.165189	0.818547
XLOC_004471	TAF1D	chr11:93469095-93474703	36.503	32.5562	-0.165085	0.799901
XLOC_007803	PCSK6	chr15:101844132-102030187	5.9298	5.28917	-0.164942	0.8626
XLOC_001484	RIMS3	chr1:41086351-41131324	0.761011	0.678882	-0.164756	0.886094
XLOC_016590	WWC2	chr4:184020462-184241929	0.84124	0.750475	-0.164713	0.883608
XLOC_020471	ZMIZ2	chr7:44788529-44809479	13.4604	12.0084	-0.164687	0.805402
XLOC_005707	NAA25	chr12:112464492-112546635	4.85023	4.32725	-0.164603	0.809839
XLOC_021034	POLM	chr7:44111846-44122129	6.70438	5.98162	-0.164566	0.844936
XLOC_023548	CXorf57	chrX:105855159-105922673	1.42798	1.27407	-0.164532	0.879055
XLOC_004973	HELB	chr12:66696334-66737423	0.406083	0.362328	-0.164477	0.917732
XLOC_020434	AVL9	chr7:32535175-32758780	4.40374	3.92935	-0.164437	0.861774
XLOC_015707	USP19	chr3:49145478-49158371	8.49509	7.58039	-0.164356	0.809514
XLOC_005788	STX2	chr12:131274144-131323819	3.66395	3.26991	-0.164146	0.846716
XLOC_004974	CAND1	chr12:67663060-67708388	16.7095	14.9128	-0.164119	0.792618
XLOC_016677	BOD1L1	chr4:13570365-13629328	0.732339	0.65361	-0.164081	0.862353
XLOC_014828	SUN2	chr22:39130718-39152024	17.6443	15.7477	-0.164061	0.797341
XLOC_017277	DMXL1	chr5:118407083-118584822	0.725542	0.647585	-0.16399	0.854567
XLOC_011319	EEF2	chr19:3976053-3985461	2545.63	2272.27	-0.16389	0.842531
XLOC_005073	TCP11L2	chr12:106696580-106740792	0.560641	0.500441	-0.163878	0.92475
XLOC_012038	RNF144A	chr2:7052406-7184309	1.86277	1.6628	-0.163837	0.855739
XLOC_016635	NELFA	chr4:1984440-2010962	37.3955	33.3812	-0.163831	0.796502
XLOC_012187	RPS27A	chr2:55399686-55462989	1989.08	1775.6	-0.163792	0.818631
XLOC_008935	SARM1	chr17:26698986-26733230	0.722765	0.645217	-0.163743	0.961218
XLOC_006269	ARHGEF40	chr14:21538526-21558036	2.47742	2.21169	-0.163693	0.852718
XLOC_011616	THAP8	chr19:36525886-36545664	2.91617	2.60347	-0.163642	0.899607
XLOC_020891	PDGFA	chr7:536896-559481	6.42767	5.73846	-0.163632	0.859937
XLOC_009420	CHRNE	chr17:4736634-4806369	3.81015	3.40167	-0.163604	0.968057
XLOC_009304	METTL23	chr17:74722911-74729962	25.267	22.5584	-0.163586	0.83399
XLOC_010606	ZNF763	chr19:12075868-12091198	0.808005	0.721392	-0.163582	0.907121
XLOC_012865	LOC100288911	chr2:36581891-36582713	10.1909	9.09897	-0.163509	0.895326
XLOC_021342	ZC3HAV1	chr7:138728265-138794465	6.0019	5.35881	-0.163506	0.841788
XLOC_000495	PKN2	chr1:89149921-89301938	4.06989	3.63416	-0.163368	0.816507
XLOC_004352	CLCF1	chr11:67085309-67159158	6.42105	5.73361	-0.163365	0.943077
XLOC_015397	EIF2A	chr3:150264573-150303803	20.2434	18.0766	-0.163324	0.79984
XLOC_016815	RASGEF1B	chr4:82348218-82393061	0.03447	0.0307864	-0.163049	1
XLOC_021853	SGK223	chr8:8175257-8239257	2.59457	2.3174	-0.162991	0.867031
XLOC_001049	CENPF	chr1:214776531-214837914	4.61723	4.12418	-0.162918	0.809839
XLOC_000446	MIER1	chr1:67390577-67454302	6.21197	5.54875	-0.162889	0.820912
XLOC_008878	C17orf76-AS1,SN	chr17:16342300-16395505	1498.12	1338.19	-0.162869	0.81852
XLOC_009003	ZNHIT3	chr17:34842472-34891305	79.7006	71.1993	-0.162727	0.865419
XLOC_013042	GPAT2	chr2:96676298-96700727	0.10105	0.0902759	-0.162654	1
XLOC_020646	SPDYE3	chr7:99905324-99965454	0.300688	0.26863	-0.162645	1
XLOC_003179	METTL10	chr10:126447405-126480439	3.21248	2.8702	-0.162536	0.864016
XLOC_006765	CFL2	chr14:35179587-35184029	14.0715	12.5732	-0.162425	0.805817
XLOC_010163	DSG2	chr18:29078026-29136874	10.4158	9.30706	-0.162375	0.78932
XLOC_016164	PCGF3	chr4:699572-764427	4.84924	4.33357	-0.162203	0.824472
XLOC_014491	KREMEN1	chr22:29469065-29564321	2.56514	2.29238	-0.162191	0.846451

XLOC_022910	ZCCHC6	chr9:88902647-88969402	2.76978	2.4753	-0.162171	0.839812
XLOC_021778	ZNF696	chr8:144373558-144382120	6.45846	5.77202	-0.162116	0.824372
XLOC_002429	RASSF4	chr10:45455218-45490172	3.8712	3.45989	-0.162057	0.873675
XLOC_021260	LAMB1	chr7:107564245-107643804	17.2335	15.4027	-0.162029	0.79613
XLOC_021744	NSMCE2	chr8:126104082-126379367	22.6888	20.2805	-0.161886	0.818403
XLOC_002584	IFIT5	chr10:91174324-91180759	3.07604	2.74957	-0.161869	0.847391
XLOC_017399	RBM27	chr5:145583162-145668784	2.84162	2.54005	-0.161857	0.819969
XLOC_023842	SLC38A5	chrX:48316926-48328644	183.469	164.005	-0.161799	0.804678
XLOC_021786	LOC100128338	chr8:144816309-144828507	11.4635	10.2475	-0.16178	0.818092
XLOC_017156	NLN	chr5:65018022-65125111	3.58831	3.20781	-0.161716	0.811033
XLOC_004621	ETS1	chr11:128328655-128457453	25.217	22.5435	-0.16169	0.801546
XLOC_000847	NUF2	chr1:163291722-163325553	11.2827	10.0866	-0.161678	0.824372
XLOC_017758	GIN1	chr5:102421703-102455842	1.13601	1.01562	-0.161618	0.883168
XLOC_012513	METAP1D	chr2:172864803-172945587	1.02703	0.918325	-0.161404	0.929057
XLOC_014002	NEURL2	chr20:44517110-44541003	2.11701	1.89301	-0.161348	0.985692
XLOC_009590	ABHD15	chr17:27887688-27894042	6.02288	5.38608	-0.161217	0.845191
XLOC_013770	GID8	chr20:61569440-61579827	15.715	14.0545	-0.161108	0.8041
XLOC_007523	LTK	chr15:41795839-41806085	42.2962	37.8278	-0.161081	0.805817
XLOC_001392	PTAFR	chr1:28473676-28520447	0.0382551	0.0342147	-0.161036	1
XLOC_014403	DGCR6	chr22:18893735-18899601	23.493	21.0125	-0.160981	0.840937
XLOC_000441	LEPR,LEPROT	chr1:65886130-66103176	7.13279	6.37974	-0.160969	0.935259
XLOC_013061	COA5	chr2:99215785-99224981	9.36168	8.37386	-0.160875	0.840133
XLOC_001646	FLJ27354	chr1:90090407-90098453	0.75214	0.672782	-0.160862	0.954501
XLOC_006934	SMEK1	chr14:91923955-91976644	10.9602	9.80455	-0.160748	0.806419
XLOC_002256	ARID4B	chr1:235330209-235491532	1.28693	1.15126	-0.160714	0.85718
XLOC_011908	ZNF577	chr19:52359055-52391229	0.369576	0.330619	-0.160703	1
XLOC_015918	ZNF148	chr3:124944512-125094198	1.84679	1.65218	-0.160642	0.832978
XLOC_017798	IRF1	chr5:131817300-131826465	2.98868	2.67392	-0.16055	0.86136
XLOC_018458	DSE	chr6:116601282-116759442	2.99528	2.67984	-0.160545	0.848939
XLOC_005736	RPLP0	chr12:120634502-120639014	7642.75	6837.98	-0.160521	0.858249
XLOC_023465	TAF1	chrX:70430034-70948962	2.08077	1.8617	-0.160496	0.978818
XLOC_003317	RPL27A	chr11:8703994-8711419	426.957	382.022	-0.160434	0.82411
XLOC_009158	DLX4	chr17:48046561-48052323	0.7944	0.710794	-0.160433	0.93571
XLOC_014544	SH3BP1	chr22:38035683-38052050	21.6077	19.3341	-0.160393	0.812055
XLOC_015083	PTH1R	chr3:46919235-46945289	6.26038	5.60176	-0.160372	0.872122
XLOC_012237	SPR	chr2:73114511-73119289	71.873	64.3123	-0.160354	0.802444
XLOC_017271	AP3S1	chr5:115177618-115249778	45.5313	40.7417	-0.160354	0.806275
XLOC_000695	TUFT1	chr1:151512780-151556059	12.054	10.7864	-0.160298	0.824372
XLOC_011810	RPL18	chr19:49118583-49133663	3673.71	3287.65	-0.160184	0.826133
XLOC_008092	LONP2	chr16:48274602-48420559	14.1243	12.6411	-0.160061	0.84576
XLOC_002118	KLHL12	chr1:202860229-202896371	10.0451	8.99058	-0.160007	0.8146
XLOC_010940	MARK4	chr19:45754515-45808541	12.097	10.8272	-0.159995	0.806301
XLOC_011522	BST2	chr19:17513754-17516384	358.924	321.307	-0.159725	0.804694
XLOC_000125	FBLIM1	chr1:16085254-16113084	0.506091	0.453056	-0.159708	0.938925
XLOC_010115	RALBP1	chr18:9475529-9538106	15.5713	13.9407	-0.159589	0.806275
XLOC_017753	CHD1	chr5:98190907-98262238	3.09737	2.77305	-0.159569	0.825475
XLOC_002134	LINC00628	chr1:204337557-204338847	0.0430114	0.0385089	-0.15953	1
XLOC_017244	CAST	chr5:95997740-96149848	34.2518	30.6674	-0.159473	0.845191
XLOC_004810	ARID2	chr12:46123619-46301819	1.75185	1.56858	-0.159417	0.841788

XLOC_002658	HPS6	chr10:103825123-103827795	17.7702	15.9113	-0.159402	0.818403
XLOC_017171	SMN2	chr5:69345349-69373422	2.45165	2.19521	-0.159396	0.890882
XLOC_006009	CDC16	chr13:115000361-115038150	26.9395	24.1221	-0.159368	0.802621
XLOC_011680	PRX	chr19:40899670-40919271	1.47468	1.3206	-0.159211	0.888541
XLOC_008887	MED9	chr17:17380299-17396534	9.20603	8.24418	-0.159203	0.850428
XLOC_016205	BLOC1S4	chr4:6717841-6719387	24.7328	22.1488	-0.159197	0.826026
XLOC_003933	BET1L	chr11:202923-207422	21.918	19.629	-0.159135	0.801756
XLOC_022355	DCAF10	chr9:37800789-37867665	2.78306	2.49267	-0.158977	0.831125
XLOC_007376	ZNF592	chr15:85291817-85349663	3.29946	2.95524	-0.158956	0.825017
XLOC_004786	KLHL42	chr12:27933186-27955973	3.29748	2.95387	-0.158755	0.828851
XLOC_003329	ADM	chr11:10326641-10328923	55.1019	49.3613	-0.158721	0.811998
XLOC_005443	RACGAP1	chr12:50382944-50419307	15.1432	13.5659	-0.158691	0.810133
XLOC_013182	ARL5A	chr2:152657479-152685009	12.5201	11.216	-0.158684	0.809368
XLOC_022874	PTAR1	chr9:72324437-72374876	1.52604	1.36711	-0.15866	0.839812
XLOC_008432	NTAN1	chr16:15131709-15149936	24.5591	22.0048	-0.158441	0.825017
XLOC_000019	GLTPD1	chr1:1260142-1264276	21.5904	19.3449	-0.158436	0.829536
XLOC_013052	ANKRD23	chr2:97503650-97509758	1.6008	1.43432	-0.158424	0.908115
XLOC_006182	TGDS	chr13:95226307-95248511	5.81205	5.20766	-0.158412	0.858272
XLOC_001543	EPS15	chr1:51819934-51984995	6.12767	5.49073	-0.158341	0.81727
XLOC_017077	MARCH6	chr5:10353750-10440500	9.50748	8.52036	-0.158148	0.80639
XLOC_007544	TP53BP1	chr15:43663312-43910998	3.05641	2.73918	-0.15809	0.933717
XLOC_008774	MED11	chr17:4634722-4643223	23.3819	20.9563	-0.158004	0.948673
XLOC_014728	GUCD1	chr22:24936405-24951275	21.2709	19.0645	-0.157997	0.804859
XLOC_009315	AFMID	chr17:76183397-76203782	19.0379	17.065	-0.157836	0.854032
XLOC_016890	PLA2G12A	chr4:110631144-110651242	3.918	3.51203	-0.157812	0.831832
XLOC_001060	C1orf115	chr1:220863627-220872499	3.08422	2.76481	-0.157728	0.872122
XLOC_009109	ADAM11	chr17:42836567-42859214	2.26132	2.02732	-0.157595	0.871295
XLOC_014819	PLA2G6	chr22:38507501-38577836	2.52895	2.26729	-0.15757	0.884031
XLOC_017254	FER	chr5:108083522-108523373	0.890851	0.798684	-0.157558	0.902666
XLOC_000018	PUSL1	chr1:1243993-1260067	41.3537	37.0785	-0.157432	0.951036
XLOC_020602	ANKIB1	chr7:91875547-92030698	2.67136	2.39524	-0.157406	0.838902
XLOC_000023	VWA1	chr1:1370902-1378262	5.07926	4.55429	-0.157391	0.860285
XLOC_001691	PSRC1	chr1:109822175-109825790	27.085	24.2864	-0.157349	0.824372
XLOC_002014	METTL18	chr1:169761669-169764061	4.77891	4.28521	-0.157317	0.868954
XLOC_011246	RPS5	chr19:58898635-58906171	5233.31	4693.16	-0.157163	0.83652
XLOC_005820	NUPL1	chr13:25875665-25916561	9.99212	8.96083	-0.157158	0.81114
XLOC_008940	RPL23A	chr17:27046999-27053949	2534.15	2272.66	-0.157117	0.832511
XLOC_011477	RFX1	chr19:14072341-14117134	2.94967	2.64535	-0.157096	0.879418
XLOC_023204	C9orf37	chr9:140500095-140513308	5.66454	5.08031	-0.157043	0.975492
XLOC_013265	CERKL	chr2:182321618-182521834	0.0294522	0.0264148	-0.157028	1
XLOC_012145	GALM	chr2:38893051-38961909	5.19094	4.65587	-0.156945	0.858729
XLOC_004864	IGFBP6	chr12:53491435-53496128	248.913	223.261	-0.156906	0.81114
XLOC_003814	C11orf1	chr11:111744779-111754797	18.1194	16.2536	-0.15678	0.861337
XLOC_006114	ESD	chr13:47345390-47371367	62.4227	55.9949	-0.156775	0.810769
XLOC_002060	STX6	chr1:180942175-180992046	5.68628	5.10084	-0.156752	0.824372
XLOC_021888	CNOT7	chr8:17086739-17104387	28.0829	25.1925	-0.156695	0.808452
XLOC_000741	IL6R	chr1:154377668-154441926	2.52867	2.26846	-0.156664	0.854032
XLOC_006663	PACS2	chr14:105675622-105864484	9.63176	8.64084	-0.156628	0.921452
XLOC_012716	SCARNA5	chr2:234160216-234204320	2.1226	1.90434	-0.156537	0.96074

XLOC_007251	PLEKHO2	chr15:65134081-65160201	5.05259	4.53312	-0.156519	0.848628
XLOC_009226	MAP3K3	chr17:61699800-61777519	4.16988	3.74178	-0.156281	0.908914
XLOC_003068	TLL2	chr10:98124362-98273683	0.0204466	0.018348	-0.15624	1
XLOC_023837	ZNF630	chrX:47917566-47931025	0.458576	0.411509	-0.156236	0.929145
XLOC_021396	ATG9B	chr7:150688143-150721586	1.32029	1.18488	-0.156112	0.960032
XLOC_005528	BAZ2A	chr12:56915608-57030163	9.74008	8.74172	-0.156016	0.878705
XLOC_011431	DOCK6	chr19:11309968-11373168	11.9767	10.7498	-0.155927	0.811033
XLOC_016364	RUFY3	chr4:71570653-71674336	2.11404	1.89751	-0.155895	0.86364
XLOC_000584	CEPT1	chr1:111659953-111727724	11.1066	9.96915	-0.155869	0.913887
XLOC_013450	NDUFA10	chr2:240896788-240964819	21.03	18.8777	-0.155763	0.817735
XLOC_007475	MTMR10	chr15:31196054-31283807	2.29506	2.06026	-0.155703	0.902834
XLOC_007370	LOC440300	chr15:84860599-84898920	0.154133	0.13837	-0.155652	1
XLOC_006636	RCOR1	chr14:103058995-103196913	5.41411	4.86042	-0.155644	0.830663
XLOC_015355	PCCB	chr3:135969166-136049013	84.21	75.6025	-0.155557	0.810443
XLOC_009535	ATPAF2	chr17:17921333-17942480	11.9106	10.6947	-0.15535	0.856579
XLOC_013319	INO80D	chr2:206858444-206950906	0.543519	0.488043	-0.155322	0.875692
XLOC_023670	MTMR1	chrX:149861868-149933575	3.44619	3.09464	-0.155233	0.869722
XLOC_005280	DDX12P	chr12:9570286-9600768	3.25451	2.92291	-0.155035	0.869513
XLOC_002874	ZEB1-AS1	chr10:31605456-31608024	3.49515	3.13914	-0.154984	0.879418
XLOC_005038	ELK3	chr12:96588206-96661606	10.9995	9.8792	-0.154968	0.843561
XLOC_022319	UBE2R2	chr9:33817181-33920401	16.5149	14.8342	-0.154838	0.810769
XLOC_023035	ASTN2	chr9:119187503-120177317	3.09138	2.77685	-0.154801	0.961706
XLOC_003685	NADSYN1	chr11:71164216-71212581	31.1314	27.9683	-0.154579	0.818388
XLOC_006337	FAM179B	chr14:45431415-45543634	0.712107	0.639769	-0.154544	0.889871
XLOC_018011	ZFP62	chr5:180274610-180288286	2.47454	2.22322	-0.154511	0.863994
XLOC_007642	DENND4A	chr15:65952956-66084631	1.16342	1.04535	-0.154391	0.865084
XLOC_005350	C2CD5	chr12:22601517-22697452	4.03303	3.62421	-0.154198	0.841165
XLOC_011155	CACNG8	chr19:54466289-54493469	0.156315	0.140471	-0.154181	1
XLOC_010262	RBFA	chr18:77794345-77810652	5.47364	4.91885	-0.154178	0.838891
XLOC_009467	LSMD1	chr17:7760002-7765600	49.5875	44.5641	-0.154094	0.905839
XLOC_006400	PLEKHG3	chr14:65171192-65211060	11.0502	9.9313	-0.154019	0.824419
XLOC_021750	PVT1	chr8:128902873-129113499	31.93	28.6977	-0.153979	0.817298
XLOC_022472	GALNT12	chr9:101569980-101612363	8.95961	8.05264	-0.153975	0.844936
XLOC_000311	ZNF684	chr1:40997232-41013841	0.995807	0.89504	-0.153913	0.916694
XLOC_015170	ATXN7	chr3:63850232-63989136	1.67182	1.50269	-0.153869	0.869513
XLOC_000263	KIAA1522	chr1:33207511-33240571	13.1409	11.8121	-0.153801	0.838861
XLOC_016297	SLC30A9	chr4:41992522-42089551	16.2238	14.5833	-0.153792	0.8146
XLOC_017777	ATG12	chr5:115163893-115177548	9.31503	8.37347	-0.153734	0.818547
XLOC_016698	CCDC149	chr4:24807738-24981826	1.26314	1.13549	-0.153703	0.896288
XLOC_010594	LPPR2	chr19:11466061-11476374	18.0179	16.197	-0.153699	0.836937
XLOC_006365	FBXO34	chr14:55738020-55820329	4.76302	4.28186	-0.153638	0.846427
XLOC_016022	C3orf33	chr3:155480400-155524055	3.88454	3.49216	-0.153621	0.880754
XLOC_000825	FCER1G	chr1:161185086-161189038	0.736807	0.662427	-0.153525	0.962865
XLOC_012169	SOCS5	chr2:46926098-46989927	1.8553	1.66806	-0.15348	0.869253
XLOC_014887	LOC100271722	chr22:46435786-46440748	2.32774	2.09291	-0.153422	0.909496
XLOC_000366	MAST2	chr1:46269284-46501796	19.3601	17.4084	-0.1533	0.818092
XLOC_023778	PHKA2	chrX:18908413-19002480	3.95893	3.55989	-0.153281	0.845932
XLOC_022010	ASPH	chr8:62200524-62627199	48.3742	43.4994	-0.153243	0.824372
XLOC_008381	MEFV	chr16:3292027-3306627	0.04638	0.041707	-0.153214	1

XLOC_009189	MSI2	chr17:55333930-55757299	5.31714	4.78187	-0.153075	0.888409
XLOC_014527	HMGXB4	chr22:35653444-35691800	4.56972	4.11016	-0.152909	0.846848
XLOC_007545	PPIP5K1	chr15:43663312-43910998	4.61028	4.14694	-0.152806	0.93053
XLOC_016906	PRSS12	chr4:119201192-119273922	1.44086	1.29606	-0.152803	0.883818
XLOC_010356	SMAD2	chr18:45359465-45457517	5.36794	4.82884	-0.152692	0.81802
XLOC_024045	TMEM255A	chrX:119392504-119445391	0.0204571	0.0184035	-0.152627	1
XLOC_013723	PFDN4	chr20:52824501-52836492	28.4011	25.5501	-0.152618	0.828968
XLOC_018613	C6orf195	chr6:2622971-2635298	0.121176	0.109019	-0.152527	1
XLOC_018164	ZNRD1	chr6:30029035-30032686	95.4153	85.8434	-0.152513	0.824392
XLOC_000512	MTF2	chr1:93544791-93604638	5.82217	5.23818	-0.152491	0.836801
XLOC_008322	FBXL16	chr16:742499-755825	23.9131	21.5146	-0.152488	0.825683
XLOC_001234	NPHP4	chr1:5922869-6161253	2.71096	2.43918	-0.152405	0.967343
XLOC_002272	OPN3	chr1:241695433-241803701	0.238059	0.214224	-0.152198	1
XLOC_014415	DGCR8	chr22:20067754-20104818	5.66126	5.09446	-0.152195	0.920934
XLOC_015088	PTPN23	chr3:47422490-47454931	7.16666	6.44918	-0.152186	0.838891
XLOC_001352	LOC100506963	chr1:24069855-24104787	3.1841	2.86542	-0.152138	0.95238
XLOC_005719	MED13L	chr12:116396380-116714991	1.51508	1.36349	-0.152094	0.855926
XLOC_006655	ADSSL1	chr14:105190533-105213647	2.20425	1.98378	-0.152036	0.912532
XLOC_012868	HEATR5B	chr2:37208152-37311485	1.88424	1.69584	-0.15198	0.858729
XLOC_012915	CLHC1	chr2:55399686-55462989	0.42905	0.386157	-0.15196	0.985984
XLOC_003401	CD44	chr11:35160416-35253949	82.8102	74.5326	-0.151936	0.825017
XLOC_016171	CRIPAK	chr4:1385339-1389782	1.24467	1.1204	-0.151752	0.896977
XLOC_023059	RC3H2	chr9:125611731-125667562	3.05005	2.74553	-0.151749	0.867427
XLOC_009895	MED13	chr17:60019965-60142643	2.53166	2.27892	-0.151734	0.837793
XLOC_003376	BDNF-AS	chr11:27528398-27743605	0.350216	0.315263	-0.151692	1
XLOC_000326	ERMAP	chr1:43272722-43310660	1.97407	1.77709	-0.151661	0.914269
XLOC_004843	DIP2B	chr12:50898767-51142450	2.94149	2.64816	-0.151556	0.83928
XLOC_009891	APPBP2	chr17:58520519-58603580	3.06722	2.7616	-0.151424	0.840956
XLOC_015115	GNAI2	chr3:50273646-50296786	57.4343	51.7181	-0.151244	0.821611
XLOC_004524	ALG9	chr11:111652918-111742305	3.77985	3.40382	-0.151173	0.840543
XLOC_005256	C1R	chr12:7187514-7245043	0.45819	0.41261	-0.151169	0.945399
XLOC_003871	ARHGEF12	chr11:120207617-120360645	5.13681	4.62588	-0.151145	0.821994
XLOC_023669	MTM1	chrX:149737046-149841616	0.81033	0.729755	-0.151099	0.911314
XLOC_000532	HIAT1	chr1:100503788-100548929	12.4654	11.226	-0.151081	0.834318
XLOC_011205	ZNF583	chr19:56915382-56936400	0.948627	0.854317	-0.151069	0.916308
XLOC_018902	RCAN2	chr6:46188466-46459804	0.0324772	0.029249	-0.151041	1
XLOC_003699	INPPL1	chr11:71935881-71955220	16.3676	14.7408	-0.151027	0.825017
XLOC_011674	TTC9B	chr19:40721964-40724306	1.46706	1.32127	-0.150999	0.956177
XLOC_022661	GPSM1	chr9:139221931-139254057	51.6	46.4725	-0.150995	0.831834
XLOC_009064	TTC25	chr17:40086887-40117668	0.0768229	0.0691908	-0.150957	1
XLOC_000208	RPS6KA1	chr1:26856248-26901520	20.1563	18.1542	-0.150926	0.832459
XLOC_019080	CTAGE9	chr6:131958441-132068550	0.0495108	0.044599	-0.150732	1
XLOC_006680	CCNB1IP1	chr14:20779526-20801471	157.945	142.276	-0.150728	0.825602
XLOC_006296	PSME1	chr14:24605377-24610797	171.7	154.669	-0.150702	0.839406
XLOC_008177	HSD11B2	chr16:67465035-67471454	9.29618	8.37465	-0.15061	0.875956
XLOC_022309	ACO1	chr9:32384600-32450832	14.8412	13.3708	-0.150514	0.824372
XLOC_012271	KCMF1	chr2:85198230-85286595	10.1704	9.16414	-0.150303	0.818403
XLOC_011990	VN1R1	chr19:57966541-57968107	0.308125	0.277642	-0.150291	1
XLOC_016325	EXOC1	chr4:56719815-56771244	5.98972	5.39763	-0.150163	0.843686

XLOC_004084	RRAS2	chr11:14299465-14386052	18.6137	16.7742	-0.150116	0.831561
XLOC_023565	ALG13	chrX:110924345-111003875	4.35549	3.92508	-0.150114	0.859038
XLOC_003150	KIAA1598	chr10:118642887-118886097	3.48311	3.13896	-0.15009	0.853105
XLOC_000130	SZRD1	chr1:16693524-16724643	42.1258	37.9642	-0.150066	0.824472
XLOC_007527	EHD4	chr15:42191638-42264755	14.3653	12.9466	-0.150021	0.839214
XLOC_000682	SETDB1	chr1:150898814-150937220	4.35162	3.92222	-0.149882	0.879376
XLOC_014761	SF3A1	chr22:30727976-30773894	21.3669	19.261	-0.149693	0.83627
XLOC_001518	GPBP1L1	chr1:46092975-46152302	13.9151	12.5452	-0.14952	0.824756
XLOC_007235	FAM81A	chr15:59730371-59815751	0.555389	0.500723	-0.149488	0.925922
XLOC_011098	ZNF765	chr19:53898396-53915262	1.0315	0.929989	-0.149457	0.891995
XLOC_010522	ALKBH7	chr19:6372443-6375261	68.2376	61.5239	-0.149419	0.831614
XLOC_013305	PPIL3	chr2:201735678-201753849	13.8265	12.4665	-0.149381	0.854239
XLOC_001469	RRAGC	chr1:39303868-39325495	12.5758	11.3395	-0.149299	0.836801
XLOC_003200	STK32C	chr10:134020995-134121477	10.1588	9.16053	-0.149221	0.870275
XLOC_012546	DUSP19	chr2:183943286-183964722	0.471197	0.424902	-0.149201	0.91609
XLOC_023269	RAB9A	chrX:13707239-13727944	12.6314	11.3911	-0.149099	0.859038
XLOC_022129	AZIN1	chr8:103838535-103876397	28.6863	25.8699	-0.149089	0.821796
XLOC_015522	OPA1	chr3:193310932-193415600	8.84213	7.97427	-0.149043	0.836133
XLOC_012382	SLC20A1	chr2:113403433-113421400	9.1653	8.26607	-0.14898	0.840618
XLOC_008826	CD68	chr17:7482804-7485429	424.619	382.966	-0.148953	0.831693
XLOC_014986	NR1D2	chr3:23986750-24022109	3.42888	3.09272	-0.148864	0.849905
XLOC_020899	INTS1	chr7:1509912-1544018	20.722	18.6915	-0.148784	0.834042
XLOC_018969	LCA5	chr6:80194707-80247147	0.271855	0.245241	-0.148634	1
XLOC_023707	RPL10	chrX:153626570-153650063	1890.22	1705.25	-0.14857	0.860871
XLOC_021497	FAM160B2	chr8:21946713-21961891	19.0837	17.2166	-0.148547	0.831693
XLOC_022350	ZCCHC7	chr9:37120468-37358145	10.083	9.09661	-0.148521	0.843736
XLOC_008093	LOC100507577	chr16:48274602-48420559	0.424827	0.383285	-0.14846	0.945857
XLOC_003219	IFITM2	chr11:308106-309410	579.651	522.971	-0.148451	0.836107
XLOC_004932	RBMS2	chr12:56915608-57030163	7.80167	7.03908	-0.148397	0.902819
XLOC_021468	NEIL2	chr8:11627171-11644854	23.0549	20.8028	-0.148295	0.836427
XLOC_005698	PPTC7	chr12:110972236-111021064	1.22363	1.10411	-0.14828	0.899607
XLOC_006420	SRSF5	chr14:70232999-70238722	78.7457	71.0551	-0.148264	0.825017
XLOC_005445	LIMA1	chr12:50569562-50677353	4.10276	3.70221	-0.14821	0.862406
XLOC_004035	ARFIP2	chr11:6495912-6505911	10.2231	9.22501	-0.148207	0.898873
XLOC_016512	MGST2	chr4:140586921-141075233	66.774	60.2553	-0.148197	0.852271
XLOC_022761	IFNE	chr9:21454266-21559697	0.0923452	0.0833302	-0.148197	1
XLOC_005893	CDADC1	chr13:49822046-49867622	1.62422	1.46576	-0.148102	0.904905
XLOC_006090	SUGT1P3,TPTE2I	chr13:41363546-41495910	0.306405	0.276537	-0.147966	1
XLOC_017678	TRIM23	chr5:64885506-64920187	1.74896	1.57859	-0.147865	0.92117
XLOC_005732	CIT	chr12:120123594-120315095	3.75622	3.39045	-0.147805	0.869339
XLOC_005909	CKAP2	chr13:53029494-53050763	13.6842	12.3522	-0.147745	0.828851
XLOC_005324	HEBP1	chr12:13127798-13153243	64.0754	57.8401	-0.147699	0.831834
XLOC_000900	RASAL2	chr1:178060642-178448648	0.828432	0.747822	-0.147688	0.881102
XLOC_020740	FLNC	chr7:128470482-128499328	0.0166104	0.0149944	-0.147662	1
XLOC_004688	LRRC23	chr12:7013896-7023406	6.99281	6.31326	-0.147488	0.879376
XLOC_016593	TRAPPC11	chr4:184580419-184634747	5.60387	5.05971	-0.14737	0.841065
XLOC_010604	ZNF69	chr19:11998669-12025365	2.61844	2.36422	-0.147345	0.902527
XLOC_000509	RPL5	chr1:93297593-93427079	2421.74	2186.82	-0.147209	0.851898
XLOC_017951	UBTD2	chr5:171636649-171710795	6.93437	6.26195	-0.147154	0.850429

XLOC_018108	BTN3A2	chr6:26365397-26378548	7.25026	6.54742	-0.147106	0.849964
XLOC_008673	GLG1	chr16:74481325-74641042	17.4058	15.7189	-0.147067	0.828851
XLOC_011676	AKT2	chr19:40736223-40791302	16.0478	14.4969	-0.146634	0.832615
XLOC_016277	TBC1D1	chr4:37892704-38140796	16.1964	14.6319	-0.146561	0.842721
XLOC_009114	HEXIM1	chr17:43224683-43229468	12.9466	11.6974	-0.146379	0.838583
XLOC_012455	SPOPL	chr2:139259349-139330805	1.39832	1.26343	-0.146357	0.878705
XLOC_008928	NLK	chr17:26369687-26523404	2.72129	2.4588	-0.146339	0.879418
XLOC_016711	RFC1	chr4:39289068-39368001	7.26816	6.56734	-0.146281	0.83793
XLOC_018285	NFYA	chr6:41040706-41108573	3.73033	3.37081	-0.146209	0.85132
XLOC_021904	PHYHIP	chr8:22077215-22089851	0.176241	0.159262	-0.146148	1
XLOC_003771	FUT4	chr11:94277016-94283064	3.26511	2.95061	-0.146122	0.860087
XLOC_022829	GNE	chr9:36214438-36277053	2.3753	2.1465	-0.14612	0.869744
XLOC_002198	TAF1A	chr1:222731243-222763275	3.28005	2.96421	-0.146067	0.892992
XLOC_012618	IDH1-AS1	chr2:209119956-209120918	0.903402	0.816439	-0.146022	0.967343
XLOC_008269	GSE1	chr16:85645028-85709812	5.35845	4.84333	-0.145817	0.842721
XLOC_014303	LOC100288432	chr21:34637936-34638565	0.271598	0.245531	-0.145568	1
XLOC_018709	TOB2P1	chr6:28183115-28186707	0.857207	0.774983	-0.14548	0.917832
XLOC_020442	SEPT7	chr7:35840595-35946715	19.2432	17.3974	-0.145477	0.831834
XLOC_023520	ARMCX1	chrX:100805513-100809675	0.103557	0.0936266	-0.14544	1
XLOC_014944	IRAK2	chr3:10206562-10285427	0.912672	0.825171	-0.145403	0.919777
XLOC_003658	LOC100130987	chr11:67085309-67159158	0.991317	0.896294	-0.145375	0.980052
XLOC_008743	FAM57A	chr17:635846-646075	26.6871	24.129	-0.145372	0.839812
XLOC_014313	RUNX1	chr21:36160097-36421595	7.85762	7.10512	-0.145234	0.87608
XLOC_010513	HSD11B1L	chr19:5678432-5688534	1.2067	1.09121	-0.145134	0.986862
XLOC_014208	C21orf90	chr21:45917774-46131495	0.68485	0.619366	-0.144995	0.960032
XLOC_010736	RPSAP58	chr19:23945815-24010919	53.7149	48.5837	-0.144852	0.831693
XLOC_007614	VPS13C	chr15:62144589-62352664	1.33891	1.21109	-0.144759	0.854216
XLOC_014070	DIDO1	chr20:61509089-61569304	5.61385	5.07795	-0.144744	0.901045
XLOC_008703	COTL1	chr16:84599203-84651669	244.137	220.836	-0.144716	0.838861
XLOC_023394	CLCN5	chrX:49687224-49863892	0.654492	0.592107	-0.144518	0.899506
XLOC_011159	CNOT3	chr19:54641435-54663446	17.1059	15.4758	-0.144488	0.86364
XLOC_007832	WDR90	chr16:699362-717829	6.57773	5.95103	-0.144452	0.865667
XLOC_015771	ACTR8	chr3:53901093-53916229	3.63418	3.28817	-0.144345	0.869189
XLOC_009043	MSL1	chr17:38278789-38293045	5.86082	5.30294	-0.14431	0.84975
XLOC_003098	MRPL43	chr10:102732285-102747272	86.9975	78.7196	-0.14425	0.872095
XLOC_011610	NPHS1	chr19:36316273-36342895	0.0399816	0.0361775	-0.144243	1
XLOC_015030	RPSA	chr3:39448203-39454032	4311.4	3901.26	-0.144216	0.864982
XLOC_003232	RPLP2	chr11:809935-812876	7238.2	6551.2	-0.143871	0.851628
XLOC_015536	PAK2	chr3:196466727-196559518	11.7208	10.609	-0.143785	0.832978
XLOC_018697	ZNF204P	chr6:27325601-27343153	1.29903	1.17581	-0.143784	0.906934
XLOC_016332	REST	chr4:57774041-57802010	4.17588	3.77994	-0.143716	0.846365
XLOC_017865	ARAP3	chr5:141032967-141061800	6.34984	5.74801	-0.143658	0.852189
XLOC_000371	NSUN4	chr1:46805848-46830824	6.99665	6.33362	-0.143634	0.846427
XLOC_018036	FARS2	chr6:5261583-5771816	8.26335	7.48034	-0.143623	0.868932
XLOC_020615	DYNC111	chr7:95401817-95727736	0.102639	0.0929171	-0.143562	1
XLOC_009357	FN3KRP	chr17:80674581-80685893	18.1192	16.4042	-0.143456	0.848628
XLOC_002518	SEC24C	chr10:75504130-75531933	10.7307	9.71509	-0.143446	0.838902
XLOC_000641	PEX11B	chr1:145516164-145523732	12.4905	11.3085	-0.143421	0.861494
XLOC_001089	GUK1	chr1:228327784-228336655	274.848	248.849	-0.143365	0.840956

XLOC_001349	ASAP3	chr1:23755055-23810750	5.70432	5.16498	-0.143291	0.858806
XLOC_006116	SUCLA2	chr13:48516790-48575462	7.59938	6.88096	-0.143272	0.862353
XLOC_015304	FAM86JP	chr3:125635443-125655887	1.3041	1.18082	-0.143259	0.933369
XLOC_007588	ARPP19	chr15:52839431-52861213	16.953	15.3506	-0.143251	0.83354
XLOC_007879	ABCA17P	chr16:2390922-2476700	0.0886625	0.0802937	-0.143039	1
XLOC_010215	NEDD4L	chr18:55711609-56068772	8.3805	7.59112	-0.142724	0.836478
XLOC_022198	PTK2	chr8:141668480-142011412	26.9152	24.381	-0.142665	0.836427
XLOC_007295	LOXL1	chr15:74209808-74244478	6.49128	5.8801	-0.142663	0.919122
XLOC_017221	ATG10	chr5:81267843-81551216	2.08308	1.88705	-0.142585	0.899607
XLOC_023932	PHKA1	chrX:71798663-71934029	6.10196	5.52781	-0.142564	0.848628
XLOC_012570	CCDC150	chr2:197504355-197597530	1.02997	0.933066	-0.142553	0.907121
XLOC_000158	NBPF3	chr1:21766620-21811393	4.83241	4.37787	-0.142514	0.862733
XLOC_011007	FTL	chr19:49468565-49470136	10066.7	9119.95	-0.142489	0.87083
XLOC_007194	SPATA5L1	chr15:45694518-45713616	10.8294	9.8112	-0.142452	0.858729
XLOC_012195	PEX13	chr2:61167547-61279125	3.59321	3.25577	-0.142274	0.871648
XLOC_002352	PRPF18	chr10:13628938-13672868	10.4156	9.4377	-0.142246	0.861337
XLOC_008242	WWOX	chr16:78133326-79246564	5.39645	4.89018	-0.142124	0.914269
XLOC_023460	MED12	chrX:70338405-70362304	3.3047	2.99476	-0.142079	0.863898
XLOC_004166	LRP4	chr11:46867961-46940173	1.33823	1.21275	-0.142045	0.884031
XLOC_022096	FSBP,RAD54B	chr8:95384187-95487343	3.7651	3.41214	-0.14201	0.872122
XLOC_006458	TTLL5	chr14:76127550-76421425	2.60487	2.36077	-0.141951	0.876392
XLOC_017614	LOC646719	chr5:36871462-36876796	2.29365	2.07883	-0.141871	0.876141
XLOC_008773	ARRB2	chr17:4613788-4624795	93.646	84.8766	-0.141851	0.83928
XLOC_013465	STK25	chr2:242295663-242448987	76.7805	69.5947	-0.141762	0.844936
XLOC_012880	SOS1	chr2:39208689-39347604	1.79717	1.62903	-0.141716	0.868221
XLOC_000634	NOTCH2NL	chr1:145209110-145285912	5.88639	5.33577	-0.141685	0.851225
XLOC_016062	TNIK	chr3:170780291-171178197	6.25618	5.67144	-0.141567	0.945399
XLOC_004259	AHNAK	chr11:62201013-62314332	17.1762	15.5709	-0.141555	0.920543
XLOC_020398	CCDC126	chr7:23636997-23684327	1.17975	1.06954	-0.141495	0.916694
XLOC_008634	LCAT,SLC12A4	chr16:67973786-68002597	22.5687	20.4605	-0.141478	0.884031
XLOC_000112	PRDM2	chr1:14026734-14151574	2.21555	2.00878	-0.141347	0.899607
XLOC_004342	B3GNT1	chr11:66112842-66115161	11.4635	10.3938	-0.141314	0.872122
XLOC_016894	TIFA	chr4:113196781-113207059	6.15672	5.58256	-0.141234	0.861774
XLOC_020728	SND1	chr7:127292201-127732659	91.3305	82.8155	-0.141194	0.843686
XLOC_022802	DCTN3	chr9:34613547-34620496	96.0794	87.1222	-0.141187	0.839812
XLOC_020701	C7orf53	chr7:112120907-112130943	0.524009	0.475202	-0.141049	0.949188
XLOC_017418	ARHGEF37	chr5:148961134-149014527	0.535219	0.485419	-0.140899	0.926279
XLOC_009444	MIR497HG	chr17:6915735-6922973	1.19965	1.08809	-0.140816	0.990851
XLOC_023743	PRKX	chrX:3522383-3631675	5.49588	4.98487	-0.140794	0.852271
XLOC_007850	GNPTG	chr16:1401899-1464705	20.7311	18.8071	-0.14052	0.89785
XLOC_003549	MYRF	chr11:61520120-61555989	3.97264	3.60395	-0.140518	0.866938
XLOC_008138	ARL2BP	chr16:57279037-57287545	36.1843	32.8278	-0.140445	0.839406
XLOC_016294	LIMCH1	chr4:41362803-41702061	1.71521	1.55612	-0.140435	0.879418
XLOC_006170	SPRY2	chr13:80910111-80915086	6.15772	5.58697	-0.140328	0.878705
XLOC_023762	GEMIN8	chrX:14024844-14048035	7.56547	6.86475	-0.140222	0.86392
XLOC_007612	NARG2	chr15:60711807-60771359	2.30545	2.09193	-0.140214	0.873278
XLOC_022252	RPL8	chr8:146015153-146017805	12080.8	10962.4	-0.14016	0.880754
XLOC_000211	PIGV	chr1:27114453-27124894	5.09846	4.62647	-0.140151	0.881798
XLOC_000684	PRUNE	chr1:150980972-151008189	5.27527	4.7871	-0.140093	0.871443

XLOC_008306	TUBB3	chr16:89988416-90002505	86.9287	78.8847	-0.140087	0.840956
XLOC_004145	TRAF6	chr11:36505316-36531863	1.60262	1.4545	-0.139902	0.872122
XLOC_003396	NAT10	chr11:34127110-34168458	31.3096	28.4161	-0.139896	0.84361
XLOC_014509	MORC2-AS1	chr22:31318294-31364187	1.05177	0.954596	-0.139853	0.972711
XLOC_014193	NDUFV3	chr21:44313377-44329773	30.1046	27.3238	-0.139822	0.869972
XLOC_018972	FAM46A	chr6:82455446-82462428	0.361108	0.32776	-0.139795	1
XLOC_001545	RAB3B	chr1:52373627-52456436	3.02465	2.74534	-0.139779	0.845408
XLOC_017445	CYFIP2	chr5:156693090-156822606	9.67918	8.78567	-0.139731	0.845932
XLOC_017713	HOMER1	chr5:78669785-78809700	0.940275	0.853534	-0.139634	0.910997
XLOC_002042	RC3H1	chr1:173900351-173962210	1.26293	1.14644	-0.139624	0.870185
XLOC_009137	TBKBP1	chr17:45772629-45789429	6.0604	5.50144	-0.139603	0.872122
XLOC_003058	NOC3L	chr10:96092988-96122683	8.36911	7.59768	-0.139516	0.852718
XLOC_005179	AACS	chr12:125549924-125627871	10.2546	9.30939	-0.139508	0.858729
XLOC_012414	LOC254128	chr2:122407229-122494503	1.71609	1.55791	-0.139508	0.987173
XLOC_018545	SASH1	chr6:148663728-148873184	1.09069	0.990157	-0.139507	0.891383
XLOC_018310	CUL9	chr6:43149921-43192325	2.22191	2.01716	-0.139479	0.872122
XLOC_023804	TAB3	chrX:30845558-30907511	1.76678	1.60409	-0.139368	0.877848
XLOC_014988	RARB	chr3:25469753-25705863	0.0804667	0.0730591	-0.139329	1
XLOC_015037	RPL14	chr3:40498782-40503863	3181.21	2888.54	-0.139231	0.862509
XLOC_002749	ZRANB1	chr10:126630691-126676005	4.13873	3.75897	-0.138849	0.8626
XLOC_017070	PAPD7	chr5:6714717-6757161	10.0731	9.14892	-0.138836	0.859038
XLOC_009543	ZNF286B	chr17:18561741-18585572	2.52582	2.29436	-0.138658	0.879418
XLOC_021980	THAP1	chr8:42691816-42698474	6.32188	5.7426	-0.138648	0.878516
XLOC_003332	CTR9	chr11:10772810-10801290	8.65614	7.86316	-0.138615	0.848628
XLOC_012309	LOC285033	chr2:96850602-96908362	1.50386	1.36614	-0.138564	0.982733
XLOC_001145	LOC149134	chr1:246952918-246954788	1.46745	1.33307	-0.138554	0.942352
XLOC_001674	DBT	chr1:100652477-100715409	1.31134	1.19128	-0.138523	0.869722
XLOC_013721	MOCOS3	chr20:49575350-49578399	5.23065	4.75246	-0.138317	0.875956
XLOC_003333	LOC729013	chr11:10879763-10900823	7.70434	7.00126	-0.138057	0.896288
XLOC_010007	TIMP2	chr17:76849058-76921472	7.14492	6.49373	-0.137871	0.862984
XLOC_002285	AHCTF1	chr1:247002401-247094726	2.2303	2.02704	-0.137861	0.864931
XLOC_018777	EHMT2	chr6:31847536-31865464	22.5008	20.4506	-0.137831	0.844936
XLOC_011015	TRPM4	chr19:49661015-49715098	8.34503	7.58479	-0.137808	0.874045
XLOC_001322	CAPZB	chr1:19665266-19812066	89.8108	81.6323	-0.13775	0.842965
XLOC_001862	DENND4B	chr1:153901976-153919154	10.9458	9.94914	-0.137734	0.853468
XLOC_009020	CISD3	chr17:36886509-36904558	14.6248	13.294	-0.137646	0.944033
XLOC_010245	TIMM21	chr18:71815745-71826204	15.7305	14.3	-0.137546	0.863742
XLOC_008181	PARD6A	chr16:67694850-67696681	14.5007	13.183	-0.137437	0.887997
XLOC_009242	PITPNC1	chr17:65373396-65693379	6.59088	5.99211	-0.137405	0.848219
XLOC_022906	AGTPBP1	chr9:88161453-88356944	4.86025	4.41884	-0.137364	0.861337
XLOC_002855	ABI1	chr10:26986594-27150016	16.6419	15.1307	-0.137338	0.867291
XLOC_009211	PPM1D	chr17:58677543-58743640	2.02363	1.83993	-0.137297	0.886248
XLOC_008638	ESRP2	chr16:68119268-68270136	10.4619	9.51288	-0.137193	0.905257
XLOC_014379	POFUT2	chr21:46683842-46707811	8.79218	7.99599	-0.136945	0.869722
XLOC_023600	XIAP	chrX:122993661-123047829	2.39686	2.17988	-0.136896	0.868996
XLOC_009276	KCTD2	chr17:73043278-73061981	7.52863	6.84723	-0.136867	0.864909
XLOC_022240	CPSF1	chr8:145597730-145634733	31.9106	29.0238	-0.136802	0.870063
XLOC_019005	FBXL4	chr6:99321600-99395849	3.38098	3.07527	-0.136726	0.882208
XLOC_018559	C6orf211	chr6:151773421-151791232	5.34454	4.86134	-0.136712	0.877776

XLOC_002116	KDM5B	chr1:202696531-202777549	6.53829	5.94742	-0.13665	0.849035
XLOC_010967	PRR24	chr19:47777658-47778980	22.4426	20.4144	-0.136648	0.906423
XLOC_014062	LAMA5	chr20:60884120-60942368	3.19639	2.90765	-0.136591	0.901277
XLOC_002001	MPC2	chr1:167885912-168045083	15.0577	13.6975	-0.136588	0.905545
XLOC_007534	ZFP106	chr15:42705020-42749730	3.77531	3.43472	-0.136404	0.848567
XLOC_012715	ATG16L1	chr2:234160216-234204320	4.89469	4.45323	-0.136364	0.879376
XLOC_008721	MVD	chr16:88718347-88729495	30.3644	27.6258	-0.136363	0.863994
XLOC_012519	CDCA7	chr2:174219560-174233718	19.5198	17.7601	-0.136305	0.849964
XLOC_006228	PCID2	chr13:113831852-113863029	29.1981	26.5664	-0.136275	0.853316
XLOC_001903	MEX3A	chr1:156041803-156051789	5.30525	4.82714	-0.13625	0.86364
XLOC_003176	OAT	chr10:126085871-126107545	49.4943	45.0358	-0.136192	0.853975
XLOC_010042	P4HB	chr17:79801033-79818544	399.338	363.391	-0.136085	0.858227
XLOC_010996	CYTH2	chr19:48972464-48985571	19.5377	17.7795	-0.136045	0.848939
XLOC_022764	CDKN2B	chr9:21994789-22121093	3.33291	3.03301	-0.136033	0.881554
XLOC_015239	LOC344595	chr3:106959538-107045811	0.833546	0.758586	-0.135948	0.923579
XLOC_015337	ATP2C1	chr3:130569368-130745646	15.1866	13.821	-0.135941	0.863994
XLOC_009983	SRP68	chr17:74034855-74068607	40.9126	37.236	-0.135848	0.856226
XLOC_022811	FANCG	chr9:35073834-35080013	15.6954	14.285	-0.135845	0.862353
XLOC_022022	VCPIP1	chr8:67542487-67579452	2.44103	2.22173	-0.135806	0.866749
XLOC_006382	PCNXL4	chr14:60558628-60601532	11.9776	10.902	-0.135745	0.858729
XLOC_024041	NKAP	chrX:119059012-119077735	19.479	17.7298	-0.135744	0.863994
XLOC_014913	ARSA	chr22:51061181-51066601	7.97302	7.25713	-0.135728	0.86876
XLOC_023042	PSMD5	chr9:123578331-123605299	18.4069	16.7582	-0.135382	0.850666
XLOC_005895	PHF11	chr13:50069800-50103117	9.04586	8.23562	-0.135382	0.879376
XLOC_002327	NET1	chr10:5454513-5501019	7.54854	6.87253	-0.135356	0.861337
XLOC_023632	FHL1	chrX:135228860-135293518	0.0805899	0.073376	-0.13529	1
XLOC_008175	PLEKHG4	chr16:67311412-67360661	4.7443	4.31966	-0.135278	0.879055
XLOC_022565	ZBTB43	chr9:129567284-129600487	4.33546	3.94751	-0.135243	0.865084
XLOC_013229	METTL8	chr2:172173912-172341562	2.61109	2.37749	-0.135213	0.89785
XLOC_023423	MAGED2	chrX:54834170-54842445	35.6702	32.4795	-0.135191	0.853869
XLOC_015698	PRKAR2A	chr3:48788092-48885270	1.18904	1.08274	-0.135103	0.929102
XLOC_010920	ZNF233	chr19:44764032-44779470	0.365589	0.332908	-0.135097	1
XLOC_006415	EXD2	chr14:69658193-69710737	4.2992	3.91527	-0.134955	0.869693
XLOC_008664	AP1G1	chr16:71762904-71842976	5.9591	5.42797	-0.134681	0.853292
XLOC_012111	BRE	chr2:28004265-28561767	35.0272	31.9086	-0.134532	0.860087
XLOC_012834	CGREF1	chr2:27309610-27341995	20.8492	18.9931	-0.134521	0.886622
XLOC_002253	TOMM20	chr1:235272657-235292256	61.3862	55.924	-0.134445	0.851921
XLOC_006794	DNAAF2	chr14:50091891-50101948	7.41846	6.75867	-0.13438	0.879418
XLOC_013185	PRPF40A	chr2:153508106-153573975	11.1624	10.17	-0.134336	0.853094
XLOC_001146	VN1R5	chr1:247419373-247420447	0.0366677	0.0334096	-0.134246	1
XLOC_009062	FKBP10	chr17:39968961-39979469	134.724	122.756	-0.134212	0.856216
XLOC_005532	PTGES3	chr12:57057124-57082078	180.271	164.259	-0.134194	0.857203
XLOC_012031	RPS7	chr2:3622852-3628509	4554.42	4150.07	-0.13413	0.870275
XLOC_016174	WHSC1	chr4:1873122-1983934	10.0394	9.14852	-0.134064	0.854216
XLOC_011363	SH2D3A	chr19:6752172-6767523	6.16509	5.61853	-0.133928	0.896288
XLOC_015562	RPUSD3	chr3:9879532-9885702	67.724	61.7221	-0.133878	0.853152
XLOC_003831	RBM7	chr11:114271383-114279635	11.0671	10.087	-0.133782	0.867615
XLOC_018469	SLC35F1	chr6:118228688-118638839	0.0120115	0.0109478	-0.133772	1
XLOC_002721	FAM45A	chr10:120863610-120897376	7.52494	6.85874	-0.133736	0.872776

XLOC_016752	PPAT	chr4:57259528-57301802	7.74829	7.0625	-0.1337	0.865746
XLOC_008349	RPS2	chr16:2012061-2014827	12688.9	11566	-0.133674	0.886641
XLOC_015832	CGGBP1	chr3:88101099-88207115	7.79945	7.10972	-0.13358	0.890882
XLOC_009746	PTRF	chr17:40554466-40575338	62.2171	56.7181	-0.133504	0.857423
XLOC_010618	CALR	chr19:13049413-13055304	435.307	396.836	-0.133492	0.864302
XLOC_022884	ZFAND5	chr9:74966340-74980163	13.2654	12.094	-0.133367	0.854125
XLOC_010701	KXD1	chr19:18668571-18680197	134.877	122.972	-0.133309	0.851733
XLOC_018044	LOC100506207	chr6:8435855-8785678	0.192979	0.17595	-0.133284	1
XLOC_015903	WDR5B	chr3:122130699-122134882	1.11116	1.01312	-0.13326	0.913887
XLOC_014883	KIAA0930	chr22:45588122-45636650	11.6024	10.5793	-0.133169	0.854216
XLOC_009048	RARA	chr17:38465422-38513895	9.59065	8.74574	-0.133048	0.875956
XLOC_002505	UNC5B	chr10:72972291-73062635	2.16172	1.97134	-0.133007	0.890563
XLOC_004449	FZD4	chr11:86656716-86666440	0.915346	0.834748	-0.132976	0.905756
XLOC_011306	AES	chr19:3052907-3062964	191.826	174.937	-0.132962	0.860871
XLOC_016003	PFN2	chr3:149682690-149688741	48.6665	44.3831	-0.13292	0.854216
XLOC_022321	UBAP1	chr9:34179002-34329198	19.062	17.386	-0.132773	0.867356
XLOC_020587	DMTF1	chr7:86781676-86849031	3.62189	3.30347	-0.132761	0.917306
XLOC_013013	CAPG	chr2:85621870-85641197	135.762	123.84	-0.132607	0.853094
XLOC_006023	N6AMT2	chr13:21303072-21348057	8.75959	7.99047	-0.132583	0.905839
XLOC_021930	PBK	chr8:27667137-27695349	25.3402	23.1154	-0.132576	0.860871
XLOC_009404	SHPK,TRPV1	chr17:3468739-3539616	4.73153	4.3163	-0.132512	0.886468
XLOC_003442	MADD	chr11:47290926-47351582	5.96348	5.44031	-0.132465	0.862353
XLOC_001411	NKAIN1	chr1:31652591-31712734	2.08765	1.90457	-0.132412	0.9183
XLOC_023043	PHF19	chr9:123617930-123639606	71.0388	64.8113	-0.132362	0.900573
XLOC_015112	SEMA3F	chr3:50192847-50226508	5.95372	5.43214	-0.132272	0.882208
XLOC_017106	SKP2	chr5:36152144-36184142	8.48333	7.74064	-0.132178	0.919765
XLOC_022147	RAD21	chr8:117858172-117889107	57.6955	52.6474	-0.132095	0.859038
XLOC_017544	PP7080	chr5:470624-473080	13.3331	12.1666	-0.132088	0.879376
XLOC_024156	CXorf40B	chrX:149100414-149106716	16.1775	14.7628	-0.132021	0.879418
XLOC_004964	TBK1	chr12:64845839-64895899	7.05263	6.43622	-0.131949	0.869722
XLOC_010063	RAB40B	chr17:80614942-80656598	13.2613	12.1027	-0.131894	0.879055
XLOC_016770	YTHDC1	chr4:69176104-69215824	5.36737	4.8985	-0.131877	0.861774
XLOC_014910	ODF3B	chr22:50968837-50971008	11.8148	10.7829	-0.131852	0.925922
XLOC_016504	PHF17	chr4:129730778-129796379	6.48777	5.92118	-0.131838	0.872122
XLOC_002971	TYSND1	chr10:71897736-71906496	15.7049	14.3339	-0.131783	0.867291
XLOC_018140	ZSCAN9	chr6:28193028-28201264	6.57344	6.00031	-0.131612	0.890806
XLOC_021155	CYP51A1	chr7:91741462-91764059	28.1607	25.7066	-0.131541	0.854216
XLOC_001058	IARS2	chr1:220046618-220321383	29.0995	26.5641	-0.131516	0.935203
XLOC_012269	DNAH6	chr2:84743578-85046713	0.031997	0.0292098	-0.131485	1
XLOC_010601	ZNF491	chr19:11909390-11919306	0.276307	0.252239	-0.131481	1
XLOC_014149	SON	chr21:34915349-34949812	13.0082	11.8757	-0.131407	0.858729
XLOC_011380	ELAVL1	chr19:8023456-8070529	17.0108	15.5302	-0.131372	0.858729
XLOC_010706	CRTC1	chr19:18794424-18893143	3.83998	3.50604	-0.131258	0.879418
XLOC_021643	HNF4G	chr8:76452202-76479061	0.542972	0.495763	-0.131226	0.934604
XLOC_017353	PURA	chr5:139493707-139499001	3.99823	3.65082	-0.131141	0.872122
XLOC_020532	POM121	chr7:72349935-72425302	11.3217	10.3388	-0.131027	0.875956
XLOC_017361	WDR55	chr5:140044383-140053171	18.4612	16.8585	-0.131022	0.879055
XLOC_016517	USP38	chr4:144106069-144143141	3.07972	2.8124	-0.130998	0.881554
XLOC_001820	TDRKH	chr1:151744040-151763010	2.09224	1.91076	-0.130904	0.909496

XLOC_010908	ZNF283	chr19:44331472-44353050	1.8424	1.68273	-0.130781	0.913088
XLOC_015961	RYK	chr3:133875977-133969586	18.6328	17.0182	-0.130759	0.859038
XLOC_015543	RPL35A	chr3:197615945-197686886	4372.65	3993.9	-0.130709	0.867427
XLOC_006630	PPP2R5C	chr14:102228134-102394328	36.8631	33.6728	-0.130595	0.881798
XLOC_003688	KRTAP5-9	chr11:71259465-71260653	0.199956	0.182654	-0.130568	1
XLOC_015773	ESRG	chr3:54156692-55108584	0.10264	0.0937588	-0.13056	1
XLOC_009412	ANKFY1	chr17:4066664-4167274	3.94039	3.59964	-0.130488	0.871485
XLOC_006905	ANGEL1	chr14:77253585-77279283	6.65148	6.07636	-0.13047	0.876412
XLOC_018001	RNF130	chr5:179382473-179499109	52.1628	47.6634	-0.130138	0.858806
XLOC_022756	KLHL9	chr9:21331017-21335429	7.81861	7.14443	-0.130092	0.86835
XLOC_005390	PUS7L	chr12:44122409-44152620	2.36326	2.15952	-0.130063	0.895596
XLOC_002457	NCOA4	chr10:51565107-51590734	54.2405	49.5677	-0.12997	0.859038
XLOC_009359	TBCD	chr17:80709939-80901062	12.7785	11.6781	-0.129908	0.865317
XLOC_001867	NUP210L	chr1:153965167-154127592	0.0120102	0.0109761	-0.129899	1
XLOC_011833	HRC	chr19:49654455-49658681	0.0193695	0.0177026	-0.129825	1
XLOC_013056	FAHD2B	chr2:97749322-97760582	19.7414	18.0428	-0.129794	0.874872
XLOC_001877	PBXIP1	chr1:154916558-154928567	7.57826	6.92648	-0.129743	0.880612
XLOC_020603	GATAD1	chr7:92076761-92089381	14.6144	13.3575	-0.129735	0.859937
XLOC_015441	SEC62	chr3:169684579-169716161	9.18892	8.39892	-0.129692	0.860285
XLOC_012140	LOC100505876	chr2:37423634-37458740	10.8838	9.94894	-0.129566	0.911597
XLOC_003787	YAP1	chr11:101981191-102104154	11.863	10.8442	-0.129554	0.862939
XLOC_015597	ANKRD28	chr3:15708743-15901053	4.00652	3.66244	-0.129546	0.866466
XLOC_003769	ANKRD49	chr11:94227152-94232744	5.32309	4.86608	-0.129506	0.894866
XLOC_023995	MORF4L2	chrX:102930425-102947484	71.8921	65.7202	-0.129498	0.866022
XLOC_017336	SMAD5	chr5:135465202-135518422	3.75806	3.43546	-0.129484	0.872122
XLOC_022384	FAM122A	chr9:71320615-71624091	2.7184	2.48512	-0.129446	0.899217
XLOC_010910	ZNF155	chr19:44488321-44502477	1.6663	1.52337	-0.129383	0.917559
XLOC_015638	GORASP1	chr3:39138090-39149130	9.28187	8.48596	-0.129337	0.875251
XLOC_017624	DAB2	chr5:39371775-39425335	0.0189057	0.0172855	-0.129262	1
XLOC_012912	PSME4	chr2:54091203-54197977	9.38222	8.57851	-0.129203	0.862353
XLOC_021927	CLU	chr8:27454433-27472328	40.6953	37.2105	-0.129155	0.860109
XLOC_019106	IFNGR1	chr6:137518620-137540567	7.24511	6.62471	-0.129151	0.880754
XLOC_005875	LACC1	chr13:44410488-44468068	1.04386	0.954482	-0.129137	0.933369
XLOC_011871	LRRC4B	chr19:51020149-51071302	0.943026	0.862283	-0.129136	0.949526
XLOC_009673	TOP2A	chr17:38544772-38574202	10.519	9.61848	-0.12912	0.863898
XLOC_004614	PUS3	chr11:125753508-125773116	10.0091	9.1531	-0.128976	0.905257
XLOC_006322	KIAA0391	chr14:35591526-35743284	15.51	14.1863	-0.128695	0.886228
XLOC_001571	PPAP2B	chr1:56960418-57045257	0.530781	0.485506	-0.12863	0.943284
XLOC_009423	SPAG7	chr17:4862520-4871132	39.1709	35.8301	-0.128611	0.872122
XLOC_014085	ZBTB46	chr20:62371210-62436856	2.23184	2.04159	-0.128537	0.971663
XLOC_009911	ICAM2	chr17:62075710-62097994	4.38272	4.00934	-0.12846	0.925922
XLOC_016208	TADA2B	chr4:6911170-7059677	5.55411	5.08095	-0.128458	0.946416
XLOC_015769	DCP1A	chr3:53317444-53381654	3.13641	2.86942	-0.128357	0.879418
XLOC_002988	MICU1	chr10:74119697-74385949	29.5603	27.0443	-0.128337	0.865957
XLOC_007186	B2M	chr15:45003684-45010357	765.388	700.261	-0.128299	0.869513
XLOC_009115	HEXIM2	chr17:43238263-43247406	5.83491	5.33848	-0.128282	0.917559
XLOC_009589	NUFIP2	chr17:27582853-27621166	4.64568	4.25076	-0.128169	0.862285
XLOC_014715	GUSBP11	chr22:23980674-24059610	4.1795	3.82505	-0.12785	0.902037
XLOC_012008	ZNF837	chr19:58878989-58892389	2.50714	2.29461	-0.127795	0.944779

XLOC_004123	LIN7C	chr11:27515964-27528326	5.77543	5.28606	-0.127735	0.871917
XLOC_007626	OAZ2	chr15:64979772-64995462	35.4186	32.4191	-0.127663	0.864909
XLOC_017332	CATSPER3	chr5:134303595-134347397	0.630769	0.577361	-0.127638	0.960032
XLOC_001895	GON4L	chr1:155715558-155826972	2.06781	1.89281	-0.127576	0.886468
XLOC_005125	FBXW8	chr12:117348760-117468953	1.76021	1.61128	-0.127538	0.905545
XLOC_001109	KIAA1804	chr1:233463513-233520894	2.60842	2.38795	-0.127407	0.891105
XLOC_011820	PLEKHA4	chr19:49340353-49371884	9.43051	8.63354	-0.127384	0.879055
XLOC_016699	LGI2	chr4:25000470-25032414	0.0695283	0.0636561	-0.127302	1
XLOC_002002	GPR161	chr1:168048779-168106905	2.28507	2.0921	-0.127288	0.881554
XLOC_005647	UHRF1BP1L	chr12:100430862-100536642	1.44947	1.32707	-0.127281	0.920464
XLOC_017861	TAF7	chr5:140698056-140700351	32.9179	30.1395	-0.127217	0.864624
XLOC_012590	FZD7	chr2:202899309-202903160	3.85675	3.53148	-0.127111	0.89852
XLOC_000854	POGK	chr1:166808723-166823709	13.5548	12.4119	-0.127078	0.865957
XLOC_010026	AZI1	chr17:79163392-79196751	9.94895	9.1106	-0.126998	0.879055
XLOC_001534	FOXD2-AS1	chr1:47897806-47900313	2.86161	2.62052	-0.126971	0.925997
XLOC_004807	IRAK4	chr12:44152746-44183346	3.96774	3.63375	-0.126859	0.880041
XLOC_001861	GATAD2B	chr1:153777202-153895451	5.70455	5.22439	-0.12685	0.869722
XLOC_008137	RSPRY1	chr16:57220240-57272947	2.46933	2.26152	-0.126826	0.919777
XLOC_012164	PRKCE	chr2:45879042-46415129	1.34166	1.22877	-0.126798	0.907121
XLOC_010412	ZADH2	chr18:72909277-72921281	6.92595	6.34425	-0.126561	0.872122
XLOC_018275	TBC1D22B	chr6:37179953-37300746	3.73426	3.42067	-0.126546	0.892013
XLOC_009757	VAT1	chr17:41166621-41174459	178.072	163.123	-0.126499	0.86747
XLOC_023366	PORCN	chrX:48367370-48379202	17.4374	15.9735	-0.126498	0.879418
XLOC_000904	RALGPS2	chr1:178694299-178889237	2.15126	1.97073	-0.126455	0.886829
XLOC_019122	ADAT2	chr6:143743968-143771841	2.51914	2.30791	-0.126341	0.884031
XLOC_007409	UNC45A	chr15:91473409-91497323	32.3881	29.6729	-0.126317	0.882554
XLOC_018351	TMEM14A	chr6:52535883-52551385	23.3171	21.3624	-0.126312	0.879418
XLOC_023188	DPP7	chr9:140004991-140009195	350.265	320.915	-0.126255	0.867427
XLOC_016557	FNIP2	chr4:159690181-159956333	0.31438	0.288079	-0.126044	1
XLOC_013099	LOC151009,LOC4	chr2:111132685-111142113	3.80524	3.48727	-0.125892	0.89785
XLOC_004424	CLNS1A	chr11:77327195-77348851	109.127	100.009	-0.125875	0.863898
XLOC_004228	LPXN	chr11:58294343-58345639	1.63425	1.49772	-0.125857	0.935829
XLOC_000750	ADAM15	chr1:155006281-155042029	104.145	95.4497	-0.12578	0.879418
XLOC_008082	ZNF267	chr16:31885078-31928629	2.52323	2.31259	-0.125763	0.896541
XLOC_012751	ANO7	chr2:242127923-242164791	2.60816	2.39046	-0.125744	0.915223
XLOC_005963	IPO5	chr13:98605928-98676550	28.6277	26.2392	-0.125685	0.867291
XLOC_007197	BLOC1S6	chr15:45879416-45901909	10.5643	9.68328	-0.125628	0.869722
XLOC_021527	SCARA3	chr8:27491576-27534286	10.4502	9.57964	-0.125482	0.876392
XLOC_015643	ENTPD3-AS1	chr3:40428672-40494799	0.140973	0.129231	-0.125462	1
XLOC_003505	FAM111B	chr11:58874657-58894888	1.33981	1.22825	-0.125426	0.917748
XLOC_014600	C22orf32	chr22:42475694-42480288	25.9178	23.7598	-0.125423	0.876679
XLOC_001106	DISC1,TSNAX	chr1:231664398-232177019	10.1534	9.30805	-0.125417	0.877622
XLOC_006464	KIAA1737	chr14:77564577-77583630	3.33131	3.05415	-0.125321	0.893674
XLOC_001330	CAMK2N1	chr1:20808883-20812728	25.2063	23.1094	-0.1253	0.870275
XLOC_008190	NFATC3	chr16:68119268-68270136	3.88231	3.55939	-0.125287	0.931457
XLOC_011456	FBXW9	chr19:12799729-12807455	10.9205	10.0125	-0.125234	0.901684
XLOC_020808	GSTK1	chr7:142960521-142966222	133.345	122.259	-0.125223	0.865746
XLOC_016962	FBXW7	chr4:153242409-153456393	2.83843	2.60255	-0.125169	0.900642
XLOC_016739	SGCB	chr4:52886860-52904485	3.36065	3.08139	-0.125157	0.892586

XLOC_023578	PLS3	chrX:114795176-114885179	11.5163	10.5594	-0.12514	0.874024
XLOC_019008	PNISR	chr6:99847840-99873207	6.3774	5.84795	-0.125036	0.879418
XLOC_019129	SHPRH	chr6:145946439-146285233	0.701935	0.643701	-0.124946	0.960032
XLOC_002564	FAM22A	chr10:88985204-88994733	0.942193	0.864029	-0.124942	0.939068
XLOC_016267	C4orf52	chr4:25915813-25931501	29.4371	26.9952	-0.124932	0.879418
XLOC_016076	CCDC39	chr3:180331795-180397283	0.0278344	0.0255261	-0.124893	1
XLOC_013862	ESF1	chr20:13694968-13765579	2.78865	2.55758	-0.124787	0.895686
XLOC_005395	PLEKHA8P1	chr12:45566816-45834187	2.0483	1.87875	-0.124655	0.981022
XLOC_008161	CMTM3	chr16:66637934-66647795	58.4411	53.6063	-0.124581	0.870524
XLOC_001813	VPS72	chr1:151148775-151162689	39.881	36.5822	-0.12456	0.87368
XLOC_004686	RPL13P5	chr12:6993144-6993768	0.801847	0.735557	-0.124491	0.968154
XLOC_010671	USE1	chr19:17326154-17330638	41.0404	37.6478	-0.12448	0.883608
XLOC_022441	WNK2	chr9:95947211-96108696	5.77662	5.29961	-0.124337	0.884968
XLOC_003225	RASSF7	chr11:560970-564025	32.927	30.2097	-0.124256	0.878903
XLOC_015142	GNL3	chr3:52719935-52742197	68.2195	62.5899	-0.124255	0.92085
XLOC_016163	MYL5	chr4:671710-682973	7.82202	7.17678	-0.124204	0.93285
XLOC_022967	TSTD2	chr9:100263461-100436029	5.04128	4.62575	-0.124102	0.95395
XLOC_017462	HMMR	chr5:162887516-162918953	1.71228	1.57121	-0.124049	0.915223
XLOC_017324	PHF15	chr5:133861797-133918918	3.5121	3.22275	-0.124041	0.884031
XLOC_012567	NABP1	chr2:192542797-192553248	21.7894	19.9959	-0.123922	0.87763
XLOC_000021	LOC148413	chr1:1334909-1342693	9.40581	8.63227	-0.123813	0.965886
XLOC_005210	ZNF268	chr12:133757994-133783697	1.64386	1.50867	-0.123808	0.896541
XLOC_015780	FAM208A	chr3:56591183-56717135	4.75625	4.36534	-0.123732	0.884031
XLOC_017796	LOC553103	chr5:131630144-131731306	0.242503	0.222577	-0.123698	1
XLOC_001603	ANKRD13C	chr1:70724684-70820417	1.92934	1.77084	-0.123677	0.898467
XLOC_011221	ZNF547	chr19:57874878-57890925	10.1522	9.3185	-0.123629	0.921691
XLOC_020647	PILRB	chr7:99905324-99965454	42.4417	38.9576	-0.123576	0.897677
XLOC_011924	ZNF702P	chr19:53471503-53496784	1.72236	1.58103	-0.123524	0.913887
XLOC_004475	CWC15	chr11:94695786-94706776	25.8305	23.7111	-0.123512	0.869513
XLOC_022496	TMEM38B	chr9:108456805-108538892	11.8935	10.9182	-0.123442	0.875956
XLOC_000697	SNX27	chr1:151584661-151671559	3.31044	3.03903	-0.123413	0.881122
XLOC_008068	ZNF646	chr16:31085742-31100130	2.37589	2.18128	-0.123298	0.921553
XLOC_007932	ABAT	chr16:87688443-8878432	1.61361	1.48148	-0.123258	0.906423
XLOC_007749	BTBD1	chr15:83685180-83736167	23.0393	21.1534	-0.123208	0.869039
XLOC_009536	FLII	chr17:18128935-18162230	73.5958	67.5726	-0.123186	0.890282
XLOC_013771	SLC17A9	chr20:61583998-61599949	22.405	20.5734	-0.12304	0.879418
XLOC_017588	MYO10	chr5:16662015-16936385	6.22147	5.71299	-0.12301	0.870275
XLOC_013060	TMEM131	chr2:98372800-98612354	4.2816	3.93166	-0.12301	0.879418
XLOC_004509	CWF19L2	chr11:107197071-107328572	1.74859	1.60576	-0.122937	0.911075
XLOC_013215	TTC21B	chr2:166729871-166810348	1.63107	1.49795	-0.122822	0.905257
XLOC_006275	OXA1L	chr14:23235730-23240998	174.771	160.51	-0.122804	0.869722
XLOC_017455	PTTG1	chr5:159848864-159855746	188.482	173.113	-0.122717	0.874851
XLOC_013310	TRAK2	chr2:202241929-202316319	1.25359	1.15137	-0.122708	0.905839
XLOC_023902	ARHGEF9	chrX:62854847-63005426	2.08676	1.91675	-0.1226	0.900642
XLOC_008097	PAPD5	chr16:50186828-50269219	1.51645	1.39316	-0.122339	0.897459
XLOC_007822	RAB11FIP3	chr16:475667-572481	15.4594	14.2027	-0.122324	0.875956
XLOC_008287	CDT1	chr16:88870185-88875666	68.4043	62.8454	-0.122281	0.87368
XLOC_017810	SKP1	chr5:133492081-133512724	112.945	103.776	-0.122147	0.869345
XLOC_022006	NSMAF	chr8:59496063-59572404	18.2987	16.8135	-0.122121	0.869495

XLOC_020514	ZNF92	chr7:64838767-64865998	1.86594	1.71457	-0.122053	0.913887
XLOC_001526	MOB3C	chr1:47073386-47082563	5.00955	4.6034	-0.121982	0.896541
XLOC_003016	ZCCHC24	chr10:81142082-81205383	1.43462	1.31831	-0.121977	0.91876
XLOC_023009	PTGR1	chr9:114287446-114362135	78.8897	72.4948	-0.12196	0.872122
XLOC_018827	C6orf106	chr6:34555065-34664625	14.5863	13.4043	-0.121926	0.874024
XLOC_002546	FAM213A	chr10:82167584-82192753	17.3676	15.9604	-0.121901	0.879055
XLOC_004550	BACE1	chr11:117103403-117186972	2.25684	2.0742	-0.121745	0.934861
XLOC_006632	WDR20	chr14:102606188-102690010	9.40639	8.64536	-0.121716	0.88856
XLOC_019134	PPIL4	chr6:149825630-149867238	8.09392	7.4391	-0.12171	0.880754
XLOC_007380	AKAP13	chr15:85923846-86292589	1.59641	1.46728	-0.121692	0.896977
XLOC_005338	EPS8	chr12:15773074-15942510	2.2806	2.09619	-0.121643	0.903596
XLOC_003657	SSH3	chr11:67070918-67080078	19.6191	18.0336	-0.121574	0.878023
XLOC_022944	FAM120AOS	chr9:96208781-96328397	18.4819	16.9901	-0.121423	0.957857
XLOC_011417	ICAM3	chr19:10444451-10450345	9.88818	9.09037	-0.121366	0.901751
XLOC_021299	GCC1	chr7:127220681-127225654	6.54112	6.01366	-0.121294	0.884031
XLOC_011665	RPS16	chr19:39923846-39926618	5727.92	5266.35	-0.12121	0.886331
XLOC_012702	DIS3L2	chr2:232826292-233208678	4.9979	4.59535	-0.121147	0.890095
XLOC_008516	SEPT1	chr16:30389453-30411429	0.899742	0.827288	-0.121122	0.987173
XLOC_011662	GMFG	chr19:39818998-39826726	0.326824	0.300506	-0.12112	1
XLOC_004996	ATXN7L3B	chr12:74931550-74935232	14.8613	13.6649	-0.121086	0.875956
XLOC_016102	TBCCD1	chr3:186263855-186288332	2.01081	1.84894	-0.121081	0.925922
XLOC_019102	MAP3K5	chr6:136878186-137113656	0.722842	0.664724	-0.120926	0.930048
XLOC_005387	ZCRB1	chr12:42705887-42719932	22.3865	20.5868	-0.120908	0.875956
XLOC_003647	CCS	chr11:66360689-66373490	37.2888	34.2933	-0.120813	0.884031
XLOC_017661	RNF138P1	chr5:54603575-54830873	0.039583	0.0364038	-0.120794	1
XLOC_013228	TLK1	chr2:171847332-172087824	6.41623	5.90117	-0.120726	0.877776
XLOC_011628	ZNF790	chr19:37288451-37407193	0.492932	0.453408	-0.120577	0.958829
XLOC_000222	STX12	chr1:28099693-28150963	10.2836	9.45967	-0.120486	0.879418
XLOC_012816	SF3B14	chr2:24290453-24299314	273.907	251.979	-0.120383	0.871648
XLOC_012861	DPY30	chr2:32248971-32264844	54.9879	50.5867	-0.120356	0.879055
XLOC_011553	LPAR2	chr19:19734465-19739039	13.1657	12.1121	-0.120332	0.898484
XLOC_009534	TOM1L2	chr17:17746821-17875784	4.18629	3.85137	-0.120301	0.890207
XLOC_015505	ST6GAL1	chr3:186648314-186796341	5.2289	4.81073	-0.120251	0.886228
XLOC_009261	RPL38	chr17:72199794-72206019	4838.44	4451.51	-0.120246	0.879418
XLOC_000061	VAMP3	chr1:7831328-7841492	22.3952	20.6047	-0.120214	0.875956
XLOC_005245	LPAR5	chr12:6728000-6745297	0.0360272	0.0331469	-0.120213	1
XLOC_003439	C11orf49	chr11:46958250-47198676	20.6886	19.0356	-0.120131	0.953159
XLOC_015068	CLEC3B	chr3:45067758-45077563	1.38951	1.27851	-0.120105	0.964442
XLOC_004828	DNAJC22	chr12:49741040-49745685	5.32996	4.90433	-0.120069	0.913875
XLOC_014569	TAB1	chr22:39795758-39833133	11.908	10.9573	-0.120044	0.884621
XLOC_015156	APPL1	chr3:57261764-57326710	3.98532	3.66719	-0.120022	0.882208
XLOC_016522	ABCE1	chr4:145915726-146050676	20.649	19.001	-0.119997	0.884031
XLOC_014907	SBF1	chr22:50781745-50913464	8.81924	8.11682	-0.11974	0.92441
XLOC_015590	ZFYVE20	chr3:15111579-15140655	3.43133	3.15813	-0.119697	0.886093
XLOC_022044	RPL7	chr8:74202873-74205869	7167.44	6597.11	-0.119624	0.899607
XLOC_023142	VAV2	chr9:136627015-136857446	14.6506	13.4849	-0.119618	0.875231
XLOC_007704	FBXO22-AS1	chr15:76196199-76227608	49.5125	45.5747	-0.119559	0.948523
XLOC_022106	UQCRB	chr8:97238903-97247862	55.11	50.7271	-0.119557	0.879055
XLOC_009291	UNK	chr17:73780919-73821886	8.43101	7.76106	-0.119452	0.909176

XLOC_002994	TTC18	chr10:75007124-75118617	0.494467	0.45521	-0.11934	0.988025
XLOC_004661	RAD51AP1	chr12:4647949-4669213	5.31672	4.89479	-0.119291	0.895686
XLOC_004447	ME3	chr11:86152149-86383678	10.2077	9.3979	-0.119244	0.900232
XLOC_013672	TTPAL	chr20:43104525-43123244	4.30588	3.96448	-0.119177	0.884754
XLOC_013509	MAVS	chr20:3827445-3856770	3.69778	3.40475	-0.11911	0.879418
XLOC_017991	AACSP1	chr5:178191863-178203277	0.93945	0.865012	-0.119095	0.946021
XLOC_006201	TMTC4	chr13:101256089-101327103	3.99257	3.6763	-0.119062	0.900642
XLOC_006438	DNAL1	chr14:74111577-74170431	0.571332	0.526091	-0.119015	0.922851
XLOC_011416	RAVER1	chr19:10426888-10444314	26.9367	24.8057	-0.118899	0.879055
XLOC_018486	HINT3	chr6:126277860-126301389	5.9619	5.49052	-0.118827	0.89002
XLOC_010485	HMG20B	chr19:3572942-3579081	105.443	97.1109	-0.118762	0.87935
XLOC_013120	CCDC93	chr2:118673053-118771739	4.45961	4.10727	-0.118739	0.880754
XLOC_023456	KIF4A	chrX:69509878-69640774	5.76406	5.30873	-0.11872	0.885443
XLOC_015528	SDHAP2	chr3:195384909-195415735	0.94454	0.86994	-0.118696	0.945857
XLOC_009821	HOXB8	chr17:46689707-46692301	3.35474	3.08992	-0.11863	0.940327
XLOC_008095	CNEP1R1	chr16:50059188-50070999	5.43527	5.00622	-0.118629	0.903683
XLOC_021964	FGFR1	chr8:38268655-38326352	21.2664	19.5883	-0.118585	0.876141
XLOC_021920	KCTD9	chr8:25285363-25315984	6.0677	5.58898	-0.118566	0.887977
XLOC_007820	NME4	chr16:447191-450754	74.2825	68.4234	-0.118533	0.879055
XLOC_018454	MARCKS	chr6:114178526-114184652	11.2109	10.3268	-0.118504	0.879518
XLOC_000315	KCNQ4	chr1:41249683-41306124	5.64584	5.20079	-0.118457	0.896288
XLOC_017761	FBXL17	chr5:107194733-107717799	1.2795	1.17868	-0.118406	0.92085
XLOC_002597	EXOC6	chr10:94594469-94819251	3.11606	2.87097	-0.118185	0.900642
XLOC_002669	TRIM8	chr10:104404251-104418076	33.7322	31.079	-0.118183	0.880754
XLOC_007641	VWA9	chr15:65871095-65903627	29.8888	27.5387	-0.118147	0.875956
XLOC_012686	FBXO36	chr2:230787206-230877825	0.57963	0.534056	-0.118143	0.94824
XLOC_015414	TIPARP	chr3:156390959-156424557	12.8686	11.8573	-0.118083	0.879418
XLOC_002181	PTPN14	chr1:214522038-214725024	1.71922	1.58427	-0.117941	0.890806
XLOC_009749	PLEKHH3	chr17:40819931-40829048	10.4494	9.62926	-0.117921	0.906951
XLOC_020568	SRRM3	chr7:75831215-75916605	12.8084	11.8034	-0.117892	0.886622
XLOC_022127	UBR5	chr8:103264501-103424917	6.12801	5.64741	-0.11783	0.877776
XLOC_001585	DOCK7	chr1:62920396-63154039	3.19205	2.94189	-0.11774	0.889589
XLOC_013530	BTBD3	chr20:11871476-11907243	2.39102	2.20387	-0.117586	0.906423
XLOC_015040	ZNF621	chr3:40566375-40581043	2.4504	2.25863	-0.117567	0.89536
XLOC_017318	UQCRQ	chr5:132202318-132204536	99.1482	91.3893	-0.117561	0.879418
XLOC_017870	SPRY4	chr5:141689991-141704620	51.1934	47.1876	-0.11755	0.875256
XLOC_009553	AKAP10	chr17:19807764-19881169	4.06513	3.74748	-0.117382	0.897031
XLOC_000631	LOC100130000	chr1:143687129-143714180	0.0947696	0.0873645	-0.117377	1
XLOC_021003	KBTBD2	chr7:32907777-32931468	8.22739	7.5846	-0.117362	0.882208
XLOC_013093	SEPT10	chr2:110300373-110371783	16.9614	15.6364	-0.117349	0.877654
XLOC_007630	SPG21	chr15:65255362-65282251	82.4232	75.9855	-0.117326	0.879376
XLOC_001702	LAMTOR5	chr1:110943876-110950546	142.833	131.681	-0.117289	0.879418
XLOC_011245	A1BG-AS1	chr19:58858171-58874214	0.177392	0.163544	-0.117269	1
XLOC_023041	FBXW2	chr9:123519253-123555740	8.6473	7.97267	-0.117187	0.879269
XLOC_011449	ZNF443	chr19:12540519-12551926	1.52846	1.40922	-0.117183	0.930356
XLOC_007565	CEP152	chr15:49030134-49103343	1.05869	0.976114	-0.117156	0.914993
XLOC_023024	ALAD	chr9:116148591-116163618	7.81216	7.20327	-0.117069	0.890882
XLOC_000301	PPIE	chr1:40204516-40254533	40.6154	37.4543	-0.116894	0.915911
XLOC_001811	LYSMD1	chr1:151129104-151148547	1.57439	1.45186	-0.116886	0.974593

XLOC_017216	MSH3	chr5:79922044-80172634	0.449949	0.414938	-0.116865	0.987159
XLOC_006011	CHAMP1	chr13:115079964-115092803	5.38964	4.97036	-0.116839	0.890058
XLOC_001081	ADCK3	chr1:227127937-227175246	23.8068	21.955	-0.116821	0.881798
XLOC_017724	RPS23	chr5:81569138-81574235	488.202	450.228	-0.116821	0.886468
XLOC_001547	CC2D1B	chr1:52816264-52831877	4.73587	4.36755	-0.116808	0.888333
XLOC_001350	E2F2	chr1:23832919-23857712	2.39796	2.21168	-0.116666	0.91609
XLOC_005372	DDX11-AS1	chr12:31173696-31257725	0.867038	0.799716	-0.116607	0.982903
XLOC_017083	FAM105B	chr5:14664782-14699842	2.22812	2.05513	-0.116597	0.894373
XLOC_017692	MRPS27	chr5:71515235-71616084	40.3285	37.1983	-0.116564	0.879055
XLOC_004922	RPL41	chr12:56510373-56511616	13662.6	12602.8	-0.116487	0.896288
XLOC_013102	BUB1	chr2:111395408-111435684	14.6891	13.5503	-0.116423	0.883517
XLOC_012724	AGAP1	chr2:236402732-237040444	3.56177	3.28566	-0.116414	0.885923
XLOC_011087	ZNF578	chr19:52956828-53020131	1.43428	1.32312	-0.116381	0.911227
XLOC_016518	GAB1	chr4:144257982-144395718	0.265212	0.244677	-0.116265	1
XLOC_004642	B4GALNT3	chr12:569542-671058	2.16821	2.00048	-0.116161	0.922427
XLOC_021301	LRRRC4	chr7:127292201-127732659	0.0388479	0.0358432	-0.116137	1
XLOC_020654	MOSPD3	chr7:100209724-100213000	47.1475	43.5027	-0.116077	0.891105
XLOC_015476	AP2M1	chr3:183892633-183901879	212.914	196.483	-0.115873	0.879055
XLOC_023771	AP1S2	chrX:15843928-15873137	12.8003	11.8129	-0.115811	0.886622
XLOC_009977	TRIM47	chr17:73870244-73874656	15.6128	14.4092	-0.115738	0.899621
XLOC_005140	RNF10	chr12:120972131-121015397	29.3295	27.0688	-0.115723	0.879418
XLOC_015518	CCDC50	chr3:190984943-191116459	6.98818	6.44956	-0.115715	0.879269
XLOC_013872	DZANK1	chr20:18364010-18447829	0.224308	0.207027	-0.115662	1
XLOC_010272	CBX3P2	chr18:2652168-2655394	0.365768	0.337595	-0.115635	1
XLOC_015084	NBEAL2	chr3:46963230-47051194	5.45252	5.03259	-0.115621	0.926868
XLOC_012972	MCEE	chr2:71336805-71357394	4.32486	3.99226	-0.115447	0.936002
XLOC_001957	PEX19	chr1:160246598-160254941	15.5883	14.3898	-0.115418	0.880612
XLOC_006385	MNAT1	chr14:61201458-61435398	22.5733	20.8382	-0.115383	0.884031
XLOC_012335	CNOT11	chr2:101869344-101886778	24.4786	22.5975	-0.115361	0.880513
XLOC_016438	RAP1GDS1	chr4:99182526-99365012	10.6679	9.8483	-0.115327	0.883608
XLOC_008609	DYNC1L1I2	chr16:66754798-66785525	8.05837	7.43964	-0.115255	0.884031
XLOC_006836	L3HYPDH	chr14:59939405-59951073	3.04639	2.81255	-0.115224	0.939356
XLOC_007869	TSC2	chr16:2097989-2185899	10.9552	10.1144	-0.115205	0.928207
XLOC_012873	CDC42EP3	chr2:37869024-37899678	1.93075	1.78281	-0.115005	0.910997
XLOC_001693	SORT1	chr1:109852187-109940563	5.6201	5.18963	-0.114965	0.881798
XLOC_002239	TTC13	chr1:231041986-231114618	1.14669	1.05888	-0.114936	0.933736
XLOC_006045	MTIF3	chr13:27998680-28024739	31.1132	28.7311	-0.114914	0.962314
XLOC_016706	FLJ13197	chr4:38614321-38703129	0.0155967	0.0144033	-0.114848	1
XLOC_011424	AP1M2	chr19:10683346-10697991	2.86431	2.6456	-0.114459	0.935301
XLOC_002571	PTEN	chr10:89623194-89728532	7.9104	7.30642	-0.114585	0.883608
XLOC_010213	ONECUT2	chr18:55102916-55158530	0.346343	0.319899	-0.114585	1
XLOC_021133	RSBN1L-AS1	chr7:77313167-77409120	4.20034	3.87987	-0.114499	0.955497
XLOC_012352	C2orf49	chr2:105954012-105961984	8.48519	7.83801	-0.114459	0.915223
XLOC_011340	C19orf70	chr19:5678432-5688534	106.588	98.4599	-0.114438	0.884754
XLOC_014533	APOL6	chr22:36044423-36064456	0.103445	0.0955623	-0.114347	1
XLOC_000659	LOC388692	chr1:149279475-149291742	0.302819	0.279746	-0.114339	1
XLOC_000521	RWDD3, TMEM56	chr1:95558072-95712781	11.3716	10.5053	-0.11432	0.922274
XLOC_003851	PHLDB1	chr11:118477212-118528748	3.16481	2.9237	-0.114319	0.908098
XLOC_011736	LOC100505715	chr19:44395955-44405955	0.274316	0.253428	-0.114266	1

XLOC_003911	DCPS	chr11:126173646-126225482	32.6493	30.1638	-0.114233	0.891976
XLOC_010092	TYMS	chr18:596997-712662	20.0253	18.5009	-0.114223	0.960032
XLOC_016254	MED28	chr4:17616272-17626160	40.7697	37.6674	-0.114179	0.885904
XLOC_001236	RPL22	chr1:6245079-6259679	352.183	325.437	-0.113949	0.886886
XLOC_010743	PLEKHF1	chr19:30156326-30166383	7.26	6.70888	-0.113898	0.926079
XLOC_008065	SETD1A	chr16:30968614-30995981	8.14745	7.52902	-0.113887	0.886331
XLOC_016951	ANAPC10	chr4:145915726-146050676	6.67642	6.16972	-0.113871	0.974593
XLOC_003670	TCIRG1	chr11:67806461-67818366	38.0138	35.131	-0.113776	0.886848
XLOC_004036	RRP8	chr11:6621143-6624880	11.7245	10.8357	-0.113735	0.905545
XLOC_017217	RASGRF2	chr5:80256507-81047072	0.0567094	0.0524121	-0.113688	1
XLOC_007228	GCOM1,MYZAP,F	chr15:57884101-58009755	9.47264	8.75485	-0.113684	0.889608
XLOC_022330	UNC13B	chr9:35161988-35405332	1.21841	1.12615	-0.113602	0.919563
XLOC_011273	C19orf26	chr19:1229946-1237990	2.94886	2.72575	-0.113502	0.938663
XLOC_018143	PGBD1	chr6:28249313-28270326	1.97958	1.82986	-0.113465	0.920543
XLOC_005682	SSH1	chr12:109176465-109251359	5.9934	5.54014	-0.113452	0.900642
XLOC_020743	IRF5	chr7:128577993-128590088	24.2803	22.4451	-0.11339	0.884758
XLOC_009285	LLGL2	chr17:73521782-73571290	28.965	26.7765	-0.113345	0.905839
XLOC_016540	TRIM2	chr4:154074269-154260474	1.77231	1.63841	-0.113342	0.907121
XLOC_016725	GNPDA2	chr4:44703811-44728651	4.18144	3.86559	-0.113309	0.917306
XLOC_023984	ZMAT1	chrX:101137259-101187039	0.142238	0.131511	-0.113123	1
XLOC_008690	CDYL2	chr16:80637675-80838175	0.208908	0.193154	-0.113112	1
XLOC_015225	LNP1	chr3:100082302-100175170	1.94113	1.79494	-0.112963	0.981441
XLOC_002189	BPNT1	chr1:220046618-220321383	9.7597	9.02501	-0.112908	0.977657
XLOC_015896	RABL3	chr3:120405527-120461384	4.39387	4.06428	-0.112494	0.901719
XLOC_017512	RGS14	chr5:176784843-176799599	5.2476	4.85415	-0.112439	0.922457
XLOC_008070	KAT8	chr16:31128984-31142714	21.4383	19.8313	-0.112408	0.894866
XLOC_011429	SPC24	chr19:11257830-11266484	8.49986	7.86283	-0.112391	0.940466
XLOC_016128	ATP13A3	chr3:194123402-194188968	7.24738	6.70447	-0.112336	0.889871
XLOC_019050	TSPYL4	chr6:116571130-116575261	3.40538	3.1504	-0.112283	0.907121
XLOC_007524	RPAP1	chr15:41809374-41836464	7.57002	7.00327	-0.112268	0.896977
XLOC_023855	SYP	chrX:49044264-49056661	0.257901	0.238618	-0.112115	1
XLOC_020340	ELFN1	chr7:1748797-1787590	2.38281	2.20481	-0.112009	0.935543
XLOC_001271	KIAA2013	chr1:11979644-11986485	50.6994	46.9131	-0.111978	0.884031
XLOC_013596	DNMT3B	chr20:31350190-31397162	1.47449	1.36441	-0.111943	0.933093
XLOC_013693	ZSWIM1	chr20:44509847-44513905	4.43161	4.10088	-0.111897	0.913239
XLOC_021150	SLC25A40	chr7:87463813-87538856	2.24124	2.07404	-0.11186	0.963003
XLOC_021511	LOC389641	chr8:23082733-23088439	5.33117	4.93362	-0.111807	0.924916
XLOC_007318	UBE2Q2	chr15:76135621-76193388	13.1335	12.1546	-0.111748	0.885883
XLOC_014223	COL6A1	chr21:47401662-47424963	20.6361	19.0985	-0.111709	0.888841
XLOC_018850	GLO1	chr6:38643701-38670952	108.447	100.374	-0.111611	0.886331
XLOC_017157	ERBB2IP	chr5:65222381-65376851	6.07733	5.62504	-0.111575	0.889814
XLOC_007549	ELL3	chr15:44038589-44094769	1.58168	1.46397	-0.111572	0.993157
XLOC_010144	GATA6	chr18:19749403-19782491	2.98094	2.75911	-0.111564	0.926279
XLOC_010944	PPM1N	chr19:46001730-46005764	5.00013	4.62829	-0.111488	0.933925
XLOC_014300	PAXBP1	chr21:34100424-34144169	11.0941	10.2695	-0.111425	0.893453
XLOC_007162	TYRO3	chr15:41851219-41871536	16.7107	15.4689	-0.111406	0.889046
XLOC_016149	PIGZ	chr3:196673213-196695704	0.879775	0.814416	-0.11137	0.951272
XLOC_015182	ARL6IP5	chr3:69134089-69155239	19.5462	18.0946	-0.111327	0.890564
XLOC_015101	KLHDC8B	chr3:49209017-49213919	8.59035	7.95257	-0.111295	0.91015

XLOC_000850	MGST3	chr1:165600109-165625372	79.2945	73.4097	-0.111251	0.884031
XLOC_006306	KHNYN	chr14:24899140-24912007	12.4852	11.5592	-0.111173	0.921904
XLOC_021158	PEX1	chr7:92116336-92157845	4.42023	4.09266	-0.11108	0.898682
XLOC_009655	RPL23	chr17:37006320-37010053	4875.07	4514.1	-0.110985	0.897332
XLOC_013932	AHCY	chr20:32868070-32899608	192.054	177.837	-0.110954	0.884758
XLOC_022356	ALDH1B1	chr9:38392660-38398662	20.9471	19.3979	-0.11085	0.885177
XLOC_022089	TRIQQ	chr8:93895757-93978372	2.17784	2.01695	-0.110729	0.919979
XLOC_010224	KIAA1468	chr18:59854523-59974355	2.14701	1.9885	-0.11065	0.911075
XLOC_008590	DOK4	chr16:57496550-57520385	13.5261	12.5287	-0.110508	0.955713
XLOC_005492	ATP5G2	chr12:54058943-54070512	825.434	764.585	-0.110475	0.882958
XLOC_001541	FAF1	chr1:50906934-51425936	26.6623	24.6973	-0.110448	0.891383
XLOC_016748	CLOCK	chr4:56294067-56413076	0.732318	0.678373	-0.110392	0.919516
XLOC_022477	STX17	chr9:102668914-102736818	2.8593	2.64884	-0.110301	0.900642
XLOC_022822	GBA2	chr9:35697333-35749225	9.04347	8.37833	-0.110213	0.971173
XLOC_001639	CCBL2,RBML1	chr1:89401455-89458643	16.0501	14.8697	-0.110201	0.910891
XLOC_013312	TMEM237	chr2:202484906-202508252	3.8298	3.54818	-0.11019	0.898963
XLOC_017419	PPARGC1B	chr5:149109814-149234585	0.488354	0.452447	-0.110179	0.933523
XLOC_010060	OGFOD3	chr17:80347085-80408707	6.01835	5.57678	-0.109936	0.955641
XLOC_014674	SLC25A1	chr22:19163087-19166338	153.208	141.967	-0.109935	0.888541
XLOC_013184	STAM2	chr2:152973314-153032506	1.60595	1.48813	-0.109928	0.916694
XLOC_002532	RPS24	chr10:79793517-79816571	3598.63	3334.74	-0.109873	0.900639
XLOC_013953	DSN1	chr20:35380193-35402230	8.87744	8.22648	-0.109869	0.907121
XLOC_017858	DND1	chr5:140044383-140053171	9.63021	8.92445	-0.109804	0.964843
XLOC_021997	RPS20	chr8:56980738-56987140	3904.55	3618.62	-0.109715	0.902819
XLOC_003687	KRTAP5-8	chr11:71249070-71250253	0.0606903	0.0562478	-0.109668	1
XLOC_011839	PIH1D1	chr19:49949549-49955115	95.3909	88.4165	-0.109536	0.890489
XLOC_005871	AKAP11	chr13:42846288-42897403	2.16785	2.00941	-0.109495	0.897319
XLOC_013258	TTN	chr2:179059207-179672150	0.0165099	0.0153035	-0.109463	1
XLOC_005991	ARHGEF7	chr13:111767623-111958081	8.47771	7.85849	-0.109421	0.891476
XLOC_004772	ETNK1	chr12:22778075-22843608	5.58197	5.17493	-0.109234	0.961952
XLOC_016668	WDR1	chr4:10075962-10118573	126.282	117.077	-0.109198	0.894409
XLOC_005117	C12orf52	chr12:113623554-113630119	22.8947	21.2259	-0.109192	0.899607
XLOC_003137	RPL13AP6	chr10:112679300-112773425	0.175447	0.162675	-0.109039	1
XLOC_001737	NHLH2	chr1:116378998-116383747	0.507298	0.470391	-0.108973	0.958439
XLOC_015466	B3GNT5	chr3:182895830-183145855	2.57244	2.38537	-0.108922	0.91609
XLOC_002748	FAM175B	chr10:126490353-126525239	4.88591	4.53091	-0.108827	0.908881
XLOC_017635	LOC648987	chr5:43014830-43018913	1.38995	1.28897	-0.108809	0.945416
XLOC_021872	FAM90A2P	chr8:12030962-12034776	0.170837	0.158434	-0.108737	1
XLOC_022718	PLGRKT	chr9:5357966-5437937	14.4184	13.3735	-0.108534	0.91609
XLOC_006861	PLEK2	chr14:67853699-67878828	48.088	44.6042	-0.108497	0.892124
XLOC_000324	C1orf50	chr1:43232915-43241413	11.5825	10.7456	-0.108189	0.92438
XLOC_009361	FLJ43681	chr17:81174665-81188573	0.584464	0.542245	-0.108169	0.957719
XLOC_001256	CLSTN1	chr1:9711789-9884550	28.0307	26.0059	-0.108166	0.898682
XLOC_022604	LOC100506190	chr9:132250938-132275965	12.8402	11.9131	-0.108115	0.906633
XLOC_013844	TMEM230	chr20:5080483-5093733	61.9699	57.4965	-0.108094	0.886622
XLOC_001404	LAPTM5	chr1:31205314-31230683	0.0192272	0.017841	-0.107956	1
XLOC_014870	PACSL1	chr22:43265771-43411184	16.162	14.9971	-0.107915	0.895596
XLOC_010838	ACTN4	chr19:39138266-39235114	56.079	52.0415	-0.107798	0.901684
XLOC_016828	HELQ	chr4:84328498-84377025	2.07727	1.92781	-0.107728	0.92475

XLOC_018881	MEA1	chr6:42952236-42981618	134.994	125.281	-0.107725	0.919777
XLOC_020438	BBS9	chr7:33169151-33645680	1.09908	1.02007	-0.107627	0.936813
XLOC_000165	ZBTB40	chr1:22778343-22857650	2.23696	2.07617	-0.107613	0.908098
XLOC_023435	UBQLN2	chrX:56590025-56593443	11.6353	10.799	-0.107607	0.895686
XLOC_017809	VDAC1	chr5:133307565-133340824	161.575	149.962	-0.107603	0.894373
XLOC_020375	TMEM106B	chr7:12250847-12276890	3.62434	3.36395	-0.107562	0.89785
XLOC_017241	RHOBTB3	chr5:95066849-95132071	7.59701	7.05137	-0.107528	0.893876
XLOC_019128	FBXO30	chr6:145946439-146285233	4.74796	4.4072	-0.107444	0.916937
XLOC_023601	STAG2	chrX:123094474-123236505	8.60052	7.98653	-0.106856	0.895686
XLOC_000731	SNAPIN	chr1:153631129-153643504	39.8548	37.0101	-0.106835	0.975928
XLOC_008327	LMF1	chr16:903634-1031318	27.574	25.6061	-0.106817	0.902527
XLOC_010668	SIN3B	chr19:16940208-16991164	8.95991	8.32051	-0.106811	0.900285
XLOC_014309	ATP5O	chr21:35275756-35288158	327.162	303.822	-0.106778	0.893766
XLOC_012579	SGOL2	chr2:201390864-201448818	2.24419	2.08424	-0.106676	0.915089
XLOC_007706	ETFA	chr15:76508628-76603810	99.2498	92.1814	-0.106587	0.894866
XLOC_020870	GALNT11	chr7:151722777-151819427	12.7203	11.8144	-0.106578	0.900639
XLOC_008785	KIF1C	chr17:4901242-4931694	20.7567	19.2789	-0.10656	0.895596
XLOC_016096	IGF2BP2	chr3:185361526-185542827	30.805	28.6117	-0.106558	0.89536
XLOC_019172	AGPAT4	chr6:161551056-161695107	0.376003	0.349238	-0.106534	0.945399
XLOC_005133	PRKAB1	chr12:120105760-120119429	9.45364	8.7809	-0.106501	0.910813
XLOC_023929	RPS4X	chrX:71492452-71497141	3497.61	3248.82	-0.106451	0.908098
XLOC_015155	SPATA12	chr3:56761445-57113336	0.0809185	0.0751711	-0.106292	1
XLOC_015694	SLC26A6	chr3:48663155-48672926	8.26481	7.67799	-0.106254	0.91353
XLOC_022768	CAAP1	chr9:26840682-26892826	4.37738	4.06679	-0.106177	0.91609
XLOC_012866	FEZ2	chr2:36779403-36825332	135.672	126.049	-0.106135	0.89785
XLOC_007617	RPS27L	chr15:63445538-63449741	75.9401	70.5563	-0.106086	0.894574
XLOC_017493	MSX2	chr5:174151574-174157902	2.39617	2.22637	-0.106033	0.940466
XLOC_008513	LOC440354,LOC5	chr16:30278913-30346695	1.97388	1.83412	-0.105951	0.926279
XLOC_000513	CCDC18	chr1:93646280-93744287	0.44498	0.413489	-0.10589	0.950251
XLOC_013220	CERS6-AS1	chr2:169312758-169642939	6.18301	5.74643	-0.105642	0.943284
XLOC_008758	PAFAH1B1	chr17:2496922-2588909	13.6774	12.7121	-0.105591	0.89325
XLOC_017192	NSA2	chr5:73980968-74072737	149.535	138.982	-0.105586	0.939068
XLOC_008437	FOPNL	chr16:15959576-15982447	13.2878	12.3505	-0.105534	0.902269
XLOC_021646	ZC2HC1A	chr8:79578281-79631997	1.77407	1.64898	-0.105492	0.93053
XLOC_001258	LZIC	chr1:9989775-10002826	10.8782	10.1115	-0.105453	0.915223
XLOC_017362	HARS2	chr5:140053489-140078890	9.09075	8.45002	-0.105445	0.966647
XLOC_016760	CENPC1	chr4:68337988-68411256	2.21174	2.05595	-0.105379	0.923897
XLOC_004121	CCDC34	chr11:27360060-27384795	10.102	9.3906	-0.105353	0.917927
XLOC_001061	MARC2	chr1:220921675-220957596	4.64285	4.31603	-0.105306	0.934861
XLOC_021520	DOCK5	chr8:25042286-25270619	0.642137	0.596936	-0.105306	0.93855
XLOC_000264	S100PBP	chr1:33240839-33324480	3.64391	3.38754	-0.105249	0.981297
XLOC_018076	CDKAL1	chr6:20534687-21232634	2.85345	2.6527	-0.105248	0.924162
XLOC_011727	XRCC1	chr19:44047463-44079730	17.5194	16.2869	-0.105241	0.906932
XLOC_008425	BCAR4	chr16:11913691-11922689	0.290059	0.269657	-0.105219	1
XLOC_018978	KIAA1009	chr6:84833959-84937335	0.27104	0.251986	-0.105164	1
XLOC_006939	ATXN3	chr14:92524895-92572965	1.7479	1.62506	-0.105125	0.911478
XLOC_023891	FAM104B	chrX:55169534-55187628	6.55782	6.09716	-0.105079	0.93113
XLOC_003361	TMEM86A	chr11:18720350-18747777	1.25877	1.17051	-0.104878	0.940675
XLOC_000531	SLC35A3	chr1:100435344-100492534	2.48677	2.31244	-0.104855	0.913595

XLOC_004369	SUV420H1	chr11:67923506-67980784	6.02108	5.59967	-0.10468	0.91015
XLOC_018963	TMEM30A	chr6:75962637-75994632	12.302	11.4418	-0.104586	0.897332
XLOC_010122	CHMP1B	chr18:11689013-11908796	18.1478	16.8817	-0.104332	0.933523
XLOC_005255	LPCAT3	chr12:7085346-7125842	9.78079	9.099	-0.104243	0.914837
XLOC_006478	GPR65	chr14:88471467-88481155	0.0129154	0.0120153	-0.104224	1
XLOC_023536	TCEAL1	chrX:102883647-102885876	11.2422	10.4588	-0.104206	0.924931
XLOC_001070	FBXO28	chr1:224301788-224349749	6.50404	6.0511	-0.104137	0.898467
XLOC_012392	CBWD2	chr2:114195267-114253781	1.36285	1.26805	-0.104016	0.948316
XLOC_014719	DERL3	chr22:24129149-24181199	1.33956	1.2465	-0.103874	0.991785
XLOC_000330	WDR65	chr1:43629844-43720029	0.0262234	0.0244036	-0.103758	1
XLOC_006091	ELF1	chr13:41506054-41593508	7.5854	7.0592	-0.10372	0.900642
XLOC_004604	SIAE	chr11:124492741-124564687	8.25555	7.68332	-0.103634	0.946416
XLOC_005348	ABCC9	chr12:21950323-22089628	0.54564	0.507853	-0.103536	0.937886
XLOC_016602	FAM149A	chr4:187065994-187093817	1.18667	1.10455	-0.103459	0.949726
XLOC_004432	NARS2	chr11:78147006-78285909	7.47814	6.96078	-0.103431	0.916694
XLOC_006154	MZT1	chr13:73282494-73301938	15.8995	14.8007	-0.103313	0.902527
XLOC_014225	MCM3AP-AS1	chr21:47649157-47705236	0.146414	0.136303	-0.103236	1
XLOC_021983	PRKDC	chr8:48685668-48872743	10.1094	9.41207	-0.103113	0.89785
XLOC_000639	LIX1L	chr1:145477084-145499091	9.0588	8.43415	-0.103077	0.92921
XLOC_000548	PRMT6	chr1:107599266-107601916	6.98063	6.49933	-0.103066	0.916082
XLOC_023823	FUNDC1	chrX:44382884-44402221	14.1007	13.1286	-0.103055	0.916308
XLOC_010257	ATP9B	chr18:76829396-77138282	2.41851	2.25184	-0.103014	0.928422
XLOC_015739	C3orf18	chr3:50595455-50622421	6.2686	5.83663	-0.103008	0.965886
XLOC_010814	LOC728752	chr19:36980528-36981942	1.25199	1.16572	-0.103	0.961218
XLOC_018026	DKFZP686I15217	chr6:2988200-2991405	1.15678	1.07707	-0.102998	0.954397
XLOC_007710	PEAK1	chr15:77400497-77712446	1.18751	1.10573	-0.102937	0.91609
XLOC_002101	KIF21B	chr1:200938513-200992828	0.111461	0.103808	-0.102623	1
XLOC_008445	SMG1	chr16:18816174-18937726	2.36824	2.20564	-0.102617	0.904905
XLOC_003623	SIPA1	chr11:65405577-65418391	13.1888	12.2843	-0.102502	0.91207
XLOC_016099	DGKG	chr3:185864989-186080023	2.00412	1.86697	-0.102267	0.92351
XLOC_000536	CDC14A	chr1:100818022-100985833	0.965787	0.899703	-0.102255	0.939929
XLOC_017169	GTF2H2C,GTF2H	chr5:68856050-68888729	1.58957	1.48083	-0.102229	0.948369
XLOC_020569	HSPB1	chr7:75931874-75933614	820.539	764.412	-0.102222	0.900642
XLOC_013939	TRPC4AP	chr20:33543703-33680618	39.1733	36.4943	-0.102199	0.899607
XLOC_008402	ROGDI	chr16:4846962-4852951	9.36932	8.72876	-0.102167	0.928904
XLOC_022983	TMEM246	chr9:104237607-104249475	26.9653	25.1219	-0.102156	0.901751
XLOC_005438	FMNL3	chr12:50017196-50101197	3.39892	3.16677	-0.102063	0.907121
XLOC_008685	TMEM231	chr16:75572014-75590184	12.4635	11.6123	-0.102055	0.907121
XLOC_003918	TMEM45B	chr11:129685740-129729898	0.0315038	0.0293529	-0.102025	1
XLOC_021956	BRF2	chr8:37654400-37707431	10.774	10.039	-0.101944	0.916584
XLOC_015460	USP13	chr3:179370932-179507189	1.58435	1.47629	-0.101913	0.919765
XLOC_020923	CYTH3	chr7:6201411-6312242	4.41859	4.11727	-0.101898	0.915223
XLOC_002527	VDAC2	chr10:76969911-76991207	185.757	173.097	-0.101838	0.901045
XLOC_001441	KIAA0319L	chr1:35899090-36023037	7.63599	7.11585	-0.10178	0.905305
XLOC_015063	ZNF501	chr3:44771097-44778575	0.636308	0.592975	-0.101755	0.952184
XLOC_017177	BDP1	chr5:70751441-70863649	0.961394	0.895986	-0.101651	0.922738
XLOC_018690	LOC285819	chr6:26458152-26482737	0.293411	0.273457	-0.10161	1
XLOC_011327	UBXN6	chr19:4445002-4457791	148.647	138.538	-0.101602	0.904214
XLOC_021208	GPC2	chr7:99767228-99774990	1.86138	1.73491	-0.101515	0.948523

XLOC_012878	DHX57	chr2:39024875-39103021	3.36225	3.13387	-0.101481	0.91609
XLOC_001056	LYPLAL1	chr1:219347191-219386207	12.8809	12.0074	-0.101303	0.906932
XLOC_022269	CDC37L1	chr9:4679565-4706594	6.64734	6.19698	-0.101212	0.925922
XLOC_000994	SOX13	chr1:204042245-204096871	4.42898	4.12899	-0.101185	0.923427
XLOC_005099	TCTN1	chr12:111051831-111127617	8.23617	7.67903	-0.101049	0.921553
XLOC_014494	GAS2L1	chr22:29702996-29708774	15.0734	14.0542	-0.101004	0.915911
XLOC_014203	C21orf33	chr21:45553493-45565605	76.7562	71.5676	-0.100976	0.89785
XLOC_013861	TASP1	chr20:13370035-13619583	3.29281	3.07037	-0.100905	0.930173
XLOC_002615	CCNJ	chr10:97471535-97849992	3.92218	3.65733	-0.100867	0.945336
XLOC_000033	SKI	chr1:2160133-2241652	9.10849	8.49431	-0.100716	0.908098
XLOC_018619	SERPINB6	chr6:2948392-2972399	109.355	101.983	-0.100692	0.900997
XLOC_002673	CNNM2	chr10:104678074-104838344	3.21034	2.99392	-0.100687	0.948304
XLOC_007210	GABPB1-AS1	chr15:50569388-50650503	1.36385	1.27191	-0.100685	0.973295
XLOC_017665	MIER3	chr5:56205086-56247954	1.84078	1.71675	-0.100635	0.938335
XLOC_020652	FBXO24	chr7:100183955-100205798	0.384255	0.358371	-0.100612	0.991446
XLOC_015592	SH3BP5	chr3:15295690-15382901	6.55794	6.11622	-0.100603	0.930948
XLOC_006862	TMEM229B	chr14:67936982-67982021	0.492046	0.458942	-0.100481	0.958439
XLOC_003887	VWA5A	chr11:123986110-124017618	4.23028	3.94575	-0.100452	0.926279
XLOC_009454	PHF23	chr17:7138346-7142825	17.1158	15.9651	-0.10041	0.910956
XLOC_007296	PML	chr15:74287013-74340155	13.633	12.7166	-0.100393	0.919811
XLOC_012701	COPS7B	chr2:232651161-232673434	19.4433	18.1388	-0.100194	0.911075
XLOC_015787	DENND6A	chr3:57611180-57678816	3.15149	2.94006	-0.100188	0.919765
XLOC_015187	PPP4R2	chr3:73046118-73115011	4.3053	4.01649	-0.100177	0.934604
XLOC_014017	STAU1	chr20:47729875-47804904	31.09	29.0045	-0.100172	0.901684
XLOC_004618	FLJ39051	chr11:126173646-126225482	2.10523	1.96411	-0.100107	0.990104
XLOC_002692	PDCD4	chr10:112631552-112679124	15.1738	14.1568	-0.10009	0.923897
XLOC_002054	ABL2	chr1:179068461-179198819	19.2226	17.935	-0.100027	0.902527
XLOC_018336	CD2AP	chr6:47445524-47594996	5.80304	5.41443	-0.099997	0.908026
XLOC_018571	SNX9	chr6:158244293-158366109	12.3539	11.5269	-0.0999654	0.907121
XLOC_012204	MDH1	chr2:63348534-63834330	94.2532	87.9508	-0.0998447	0.906423
XLOC_007748	C15orf40	chr15:83654954-83680393	17.0005	15.8646	-0.0997685	0.964628
XLOC_014328	BRWD1	chr21:40557403-40685712	2.14082	1.99804	-0.0995804	0.956177
XLOC_012135	LTBP1	chr2:33172368-33624575	1.62402	1.51574	-0.0995528	0.934712
XLOC_011566	ZNF100	chr19:21906842-21950430	1.63726	1.52813	-0.0995148	0.931668
XLOC_007315	NEIL1	chr15:75639330-75647592	10.0786	9.40712	-0.0994648	0.927404
XLOC_020967	C7orf31	chr7:25174315-25219817	1.5048	1.40458	-0.0994397	0.937332
XLOC_008775	ZMYND15	chr17:4643309-4649414	1.78798	1.66906	-0.099292	0.950862
XLOC_004590	ZNF202	chr11:123594996-123612363	3.46349	3.23325	-0.0992399	0.922274
XLOC_012380	POLR1B	chr2:113299491-113334727	9.06716	8.46457	-0.0992147	0.905839
XLOC_021574	C8orf40	chr8:42273979-42408140	51.7152	48.2793	-0.099184	0.931567
XLOC_023816	MED14	chrX:40508794-40594804	4.82605	4.50572	-0.0990842	0.906934
XLOC_022312	DNAJA1	chr9:33025208-33039062	86.522	80.7806	-0.0990574	0.906423
XLOC_004638	B3GAT1	chr11:134248397-134281812	7.35911	6.8711	-0.0989897	0.91609
XLOC_007159	NUSAP1	chr15:41624891-41673248	34.1782	31.9118	-0.0989884	0.906934
XLOC_001069	CAPN2	chr1:223889294-223963720	154.146	143.93	-0.0989313	0.903933
XLOC_002840	NSUN6	chr10:18834263-18940550	3.96739	3.70447	-0.0989207	0.926279
XLOC_024016	ACSL4	chrX:108884563-108976621	9.753	9.10726	-0.0988284	0.907121
XLOC_011962	TMEM86B	chr19:55738001-55740632	1.81669	1.69696	-0.0983597	0.959811
XLOC_008608	CMTM4	chr16:66648652-66730610	11.9725	11.1836	-0.0983448	0.913887

XLOC_015267	QTRTD1	chr3:113775581-113807268	5.55625	5.19069	-0.0981861	0.916584
XLOC_014632	TBC1D22A	chr22:47158517-47571342	14.384	13.4376	-0.0981838	0.908661
XLOC_012177	FOXN2	chr2:48541794-48606434	2.65101	2.47661	-0.0981715	0.92192
XLOC_001143	CNST	chr1:246729638-246831884	3.37668	3.15462	-0.0981376	0.928348
XLOC_018618	SERPINB9	chr6:2887499-2903546	12.686	11.852	-0.0981098	0.906288
XLOC_002701	CASP7	chr10:115438920-115490668	4.05446	3.78801	-0.098068	0.93305
XLOC_001732	CSDE1,NRAS	chr1:115247084-115300671	38.0025	35.5052	-0.0980667	0.913887
XLOC_023197	NRARP	chr9:140194082-140196703	44.041	41.1472	-0.0980536	0.905903
XLOC_016287	UGDH-AS1	chr4:39529458-39640481	2.53465	2.36814	-0.0980323	0.942011
XLOC_015139	NISCH	chr3:52489523-52527088	16.598	15.5078	-0.0980139	0.913611
XLOC_014159	CBR1	chr21:37441939-37498938	48.3219	45.1489	-0.0979866	0.907121
XLOC_018157	HLA-F	chr6:29691116-29716826	62.9778	58.8436	-0.0979578	0.908148
XLOC_009903	SMARCD2	chr17:61909440-61920351	44.0402	41.1494	-0.0979519	0.906934
XLOC_021893	PSD3	chr8:18384812-18871196	0.00562297	0.00525411	-0.0978865	1
XLOC_021666	DECR1	chr8:91013579-91064227	121.366	113.405	-0.0978803	0.906423
XLOC_001863	CRTC2	chr1:153920147-153931132	15.6325	14.608	-0.0977932	0.911227
XLOC_001805	CTSK	chr1:150768683-150780917	0.951035	0.888713	-0.09778	0.957675
XLOC_012278	RNF181	chr2:85822836-85824831	170.974	159.773	-0.097759	0.905305
XLOC_018304	PPP2R5D	chr6:42952236-42981618	20.4456	19.1063	-0.0977469	0.954741
XLOC_006383	PPM1A	chr14:60712469-60765805	3.89333	3.6383	-0.0977402	0.91609
XLOC_007289	BBS4	chr15:72978519-73030817	5.60033	5.23393	-0.0976181	0.922274
XLOC_008713	MTHFSD	chr16:86563781-86588841	4.87438	4.55574	-0.0975337	0.93285
XLOC_005147	P2RX4	chr12:121647663-121671909	14.3907	13.4502	-0.0975134	0.919756
XLOC_000890	KLHL20	chr1:173684079-173755840	1.75666	1.64198	-0.0973957	0.938335
XLOC_021233	ALKBH4	chr7:102073976-102105321	10.9518	10.2373	-0.0973358	0.958829
XLOC_002524	ADK	chr10:75910942-76469061	17.2781	16.1509	-0.0973304	0.910829
XLOC_022613	PRDM12	chr9:133539980-133558384	1.44725	1.35297	-0.0971783	0.960078
XLOC_017517	B4GALT7	chr5:177027118-177037346	32.6834	30.5597	-0.0969296	0.910956
XLOC_022830	RNF38	chr9:36336398-36401195	2.86017	2.67434	-0.0969167	0.923897
XLOC_017188	BTF3	chr5:72794249-72801448	869.184	812.727	-0.096891	0.912401
XLOC_010917	ZNF234	chr19:44645709-44664462	0.985014	0.921051	-0.0968622	0.944033
XLOC_013869	SNX5	chr20:17922243-17949490	47.9993	44.8911	-0.0965869	0.91015
XLOC_001144	SCCPDH	chr1:246887377-246931440	29.5455	27.6342	-0.0964842	0.906934
XLOC_004806	PPHLN1	chr12:42719946-42842422	20.5631	19.2332	-0.0964614	0.926279
XLOC_021012	KIAA0895	chr7:36363758-36493400	0.582314	0.544653	-0.0964607	0.984084
XLOC_020577	PTPN12	chr7:77166772-77269388	8.01118	7.49307	-0.0964582	0.915223
XLOC_015264	ATP6V1A	chr3:113465865-113530905	6.46779	6.04964	-0.0964231	0.915911
XLOC_006442	COQ6	chr14:74399694-74429813	17.3964	16.2728	-0.0963257	0.920543
XLOC_004537	C11orf71	chr11:114262169-114271272	6.65156	6.22205	-0.0963028	0.962865
XLOC_004540	CADM1	chr11:115044344-115375241	5.7022	5.33417	-0.0962557	0.917149
XLOC_010576	ICAM5	chr19:10400654-10407454	1.98057	1.85277	-0.0962351	0.954981
XLOC_021295	POT1	chr7:124462439-124570037	2.85813	2.67379	-0.0961867	0.929057
XLOC_008223	IST1	chr16:71928310-72033877	25.9169	24.2464	-0.0961246	0.907875
XLOC_020444	ANLN	chr7:36363758-36493400	9.64071	9.0194	-0.0961093	0.915105
XLOC_000218	LOC644961	chr1:27648635-27662891	0.163956	0.153395	-0.0960567	1
XLOC_001242	PLEKHG5,TNFRS	chr1:6521213-6580121	17.1127	16.0106	-0.0960337	0.946021
XLOC_009091	NBR1	chr17:41322497-41363707	21.7854	20.3828	-0.0960052	0.907875
XLOC_021493	XPO7	chr8:21777179-21864096	14.146	13.2355	-0.095987	0.907979
XLOC_015275	ARHGAP31	chr3:119013219-119138323	1.44908	1.35583	-0.0959577	0.93102

XLOC_008059	PHKG2	chr16:30759619-30787628	7.43349	6.95515	-0.0959566	0.968154
XLOC_024316	CD24	chrY:21094584-21239302	5.20935	4.87423	-0.0959297	0.928348
XLOC_001096	RHO	chr1:228780393-228882416	0.26861	0.251346	-0.0958372	1
XLOC_004320	FAU	chr11:64888098-64902003	2089.48	1955.24	-0.0958016	0.921683
XLOC_015318	EEFSEC	chr3:127872312-128127489	14.3666	13.4441	-0.0957472	0.917701
XLOC_009475	VAMP2	chr17:8062464-8066293	29.5025	27.6093	-0.095686	0.908098
XLOC_014999	GPD1L	chr3:32148002-32210207	3.17391	2.97046	-0.0955738	0.926279
XLOC_004327	RELA	chr11:65421066-65430443	58.7759	55.0105	-0.095519	0.910956
XLOC_010097	MYL12A	chr18:3247527-3256234	380.737	356.353	-0.0954883	0.913595
XLOC_018252	ANKS1A	chr6:34857037-35059190	4.09374	3.83157	-0.0954833	0.922201
XLOC_010941	KLC3	chr19:45843997-45873845	34.2037	32.0144	-0.0954338	0.945208
XLOC_015856	IFT57	chr3:107879658-107941417	8.71123	8.15363	-0.0954334	0.916757
XLOC_022091	LINC00535	chr8:94358694-94712661	0.0929733	0.0870252	-0.0953829	1
XLOC_013740	RAB22A	chr20:56884770-56942563	3.82629	3.58155	-0.0953592	0.915911
XLOC_023011	C9orf84	chr9:114448900-114545779	0.00858366	0.0080349	-0.0953123	1
XLOC_018615	SERPINB1	chr6:2832565-2842283	75.6235	70.7898	-0.0952923	0.9117
XLOC_004323	LTBP3	chr11:65292547-65325699	8.51406	7.97021	-0.095229	0.97268
XLOC_008080	CLUHP3	chr16:31711933-31718745	0.271973	0.254615	-0.0951448	1
XLOC_020454	LINC00265	chr7:39773166-39834222	3.26349	3.05525	-0.0951269	0.934251
XLOC_008486	EIF3C,EIF3CL	chr16:28390899-28437775	0.0291276	0.0272703	-0.0950581	1
XLOC_014705	TOP3B	chr22:22311402-22337147	8.28269	7.75511	-0.0949524	0.924931
XLOC_010150	TTC39C	chr18:21572736-21715574	23.4927	21.9983	-0.0948207	0.953219
XLOC_007629	PIF1	chr15:65107832-65117838	5.36016	5.01972	-0.094668	0.934331
XLOC_018808	RXRB	chr6:33161361-33168473	23.6665	22.1635	-0.0946593	0.913853
XLOC_018530	VTA1	chr6:142468409-142542085	7.71637	7.2268	-0.0945667	0.917123
XLOC_009204	DHX40	chr17:57642885-57685713	6.23394	5.83875	-0.0944851	0.917559
XLOC_016662	AFAP1	chr4:7755816-7941653	1.14469	1.07217	-0.0944212	0.938489
XLOC_008607	TK2	chr16:66541905-66584315	4.78185	4.47951	-0.0942303	0.923079
XLOC_002154	EIF2D	chr1:206764973-206785904	31.1784	29.2074	-0.094213	0.915223
XLOC_004704	FOXJ2	chr12:8185358-8208118	2.05656	1.9266	-0.094175	0.934505
XLOC_009984	EXOC7	chr17:74075262-74099868	28.4971	26.6971	-0.0941321	0.909952
XLOC_013029	LOC285074	chr2:87257797-87303536	11.1004	10.4	-0.0940351	0.921553
XLOC_006727	AP1G2,JPH4	chr14:23980968-24048009	13.5695	12.7133	-0.0940308	0.938071
XLOC_006092	KBTBD6	chr13:41701708-41706936	1.33823	1.25382	-0.0939991	0.938489
XLOC_010292	CEP76	chr18:12658737-12725739	1.48366	1.39018	-0.0938921	0.984547
XLOC_011557	LINC00663	chr19:19867180-19887222	1.33607	1.25192	-0.0938525	0.953159
XLOC_021317	COPG2,TSGA13	chr7:130126015-130371406	13.6758	12.8147	-0.0938229	0.954361
XLOC_004131	PAX6	chr11:31806339-31908587	0.0674433	0.0632005	-0.0937379	1
XLOC_008655	MTSS1L	chr16:70695106-70719954	13.4768	12.629	-0.0937361	0.91609
XLOC_004418	WNT11	chr11:75897369-75917574	7.47004	7.00078	-0.0936002	0.938335
XLOC_016839	HSD17B11	chr4:88257690-88312455	30.6179	28.6957	-0.0935412	0.912417
XLOC_021349	MKRN1	chr7:140152839-140179369	44.5229	41.7279	-0.0935331	0.917149
XLOC_011699	ATP1A3	chr19:42470733-42498428	8.9323	8.37207	-0.0934468	0.922274
XLOC_022045	STAU2	chr8:74332308-74659943	6.58866	6.17545	-0.0934413	0.9183
XLOC_023686	ZNF185	chrX:152082985-152142025	0.157819	0.14793	-0.0933561	1
XLOC_002637	CUTC	chr10:101419262-101515894	17.9765	16.8502	-0.0933509	0.975484
XLOC_015705	QRICH1	chr3:49067141-49131504	17.8606	16.7438	-0.0931576	0.915426
XLOC_018276	RNF8	chr6:37321747-37362514	6.07846	5.69855	-0.0931107	0.917559
XLOC_024035	SEPT6	chrX:118749687-118827333	7.58223	7.10844	-0.0930874	0.923177

XLOC_006813	GNPNAT1	chr14:53241910-53258386	20.4642	19.1856	-0.093077	0.912368
XLOC_013236	CIR1	chr2:175212877-175260443	12.4945	11.7141	-0.0930518	0.920094
XLOC_007604	ADAM10	chr15:58888509-59042177	2.74086	2.56991	-0.0929059	0.93305
XLOC_011282	TCF3	chr19:1609288-1652328	28.7145	26.9245	-0.0928578	0.912532
XLOC_018315	POLR1C	chr6:43484776-43489246	58.5356	54.8873	-0.0928428	0.913767
XLOC_017093	C5orf22	chr5:31532372-31555165	4.12181	3.86503	-0.0927955	0.930216
XLOC_013109	CKAP2L	chr2:113495443-113522254	2.27458	2.13301	-0.0927032	0.938335
XLOC_016538	ARFIP1	chr4:153701111-153833063	6.14273	5.76099	-0.0925623	0.923162
XLOC_011918	ZNF611	chr19:53206065-53238307	0.508832	0.477214	-0.0925539	0.955832
XLOC_000335	SZT2	chr1:43855555-43919918	1.35368	1.26957	-0.092548	0.952184
XLOC_021892	ASAH1	chr8:17913924-17942507	27.0162	25.3385	-0.0924933	0.912368
XLOC_020816	CTAGE15P	chr7:143268893-143271480	0.0969727	0.0909543	-0.0924378	1
XLOC_016461	OSTC	chr4:109571740-109588978	70.3013	65.9466	-0.0922522	0.913121
XLOC_021486	NAT2	chr8:18248754-18258723	0.0277119	0.0259962	-0.0922047	1
XLOC_020406	LOC441204	chr7:26443107-26535986	0.0466229	0.0437429	-0.0919902	1
XLOC_012650	TTLL4	chr2:219575567-219620138	6.13065	5.75233	-0.0918943	0.919694
XLOC_023535	TCEAL3	chrX:102862833-102864855	15.6854	14.7177	-0.0918718	0.930048
XLOC_017582	DNAH5	chr5:13690436-13944589	0.0156686	0.014702	-0.0918588	1
XLOC_000068	SPSB1	chr1:9352940-9429590	15.5472	14.5886	-0.0918159	0.915223
XLOC_016001	COMMD2	chr3:149456256-149470286	3.86832	3.62984	-0.0918035	0.92989
XLOC_019152	TFB1M	chr6:155411422-155635617	6.59181	6.1857	-0.0917375	0.925179
XLOC_000177	TCEB3	chr1:24069855-24104787	1.86648	1.75154	-0.0916939	0.945399
XLOC_004930	IL23A	chr12:56732662-56734194	0.919304	0.862699	-0.0916837	0.971282
XLOC_015617	SLC4A7	chr3:27414211-27525911	1.49994	1.40763	-0.0916383	0.933369
XLOC_024077	RAP2C	chrX:131337051-131353508	6.68143	6.27027	-0.0916298	0.92085
XLOC_023950	TTC3P1	chrX:74960372-74962914	0.157327	0.147648	-0.0916029	1
XLOC_023605	OCRL	chrX:128674251-128726530	8.51892	7.99493	-0.0915847	0.913546
XLOC_006406	GPHN	chr14:66974124-67648525	5.65714	5.30926	-0.0915639	0.926214
XLOC_017170	SERF1A	chr5:69321071-69338940	0.0999945	0.0938674	-0.0912241	1
XLOC_012682	MFF	chr2:228192227-228222549	27.7245	26.0287	-0.0910566	0.914505
XLOC_018521	HEBP2	chr6:138725335-138734582	52.3269	49.1266	-0.0910499	0.91609
XLOC_011187	ZNF628	chr19:55987698-55995854	5.23095	4.91103	-0.0910493	0.94188
XLOC_015730	HYAL3,NAT6	chr3:50330258-50336899	26.0432	24.4512	-0.0910035	0.929057
XLOC_013675	KCNK15	chr20:43374487-43438979	0.0883424	0.0829438	-0.0909724	1
XLOC_010546	MAP2K7	chr19:7968764-7979363	19.854	18.6408	-0.090962	0.919485
XLOC_008659	ZNF23	chr16:71481502-71496117	7.58676	7.12329	-0.0909393	0.923927
XLOC_008507	YPEL3	chr16:30103634-30107537	20.9063	19.6315	-0.0907687	0.937886
XLOC_015082	TMIE	chr3:46742822-46752413	0.361134	0.339121	-0.0907366	1
XLOC_009769	TMEM101	chr17:42088555-42092345	41.8781	39.3259	-0.0907182	0.916694
XLOC_000046	DFFB	chr1:3773844-3801993	3.85301	3.61836	-0.0906479	0.938335
XLOC_004383	DHCR7	chr11:71145456-71159477	34.4972	32.399	-0.0905313	0.915911
XLOC_007206	NDUFAF4P1	chr15:49447975-49913118	0.0181934	0.017087	-0.090514	1
XLOC_014771	MORC2	chr22:31318294-31364187	4.30153	4.04021	-0.0904175	0.934251
XLOC_011251	ZNF446	chr19:58987794-58992597	7.60243	7.14092	-0.090351	0.936242
XLOC_014716	ZNF70	chr22:24083771-24093279	0.712983	0.66972	-0.0903092	0.958143
XLOC_022318	PRSS3	chr9:33750463-33799229	54.0278	50.7504	-0.0902832	0.924471
XLOC_002985	ASCC1	chr10:73855789-73995618	8.90632	8.36631	-0.0902389	0.967296
XLOC_020363	ZDHHC4	chr7:6617064-6628610	38.8612	36.5057	-0.090209	0.9183
XLOC_001460	C1orf109	chr1:38147241-38156192	7.09685	6.66684	-0.0901755	0.934331

XLOC_012910	ASB3,GPR75,GPF	chr2:53897116-54087170	4.17241	3.91982	-0.0900936	0.974348
XLOC_024192	LAGE3	chrX:153705240-153707596	18.5976	17.4718	-0.09009	0.928237
XLOC_005557	LRIG3	chr12:59265936-59314319	0.910835	0.855701	-0.0900838	0.952539
XLOC_017736	MBLAC2	chr5:89754019-89770585	1.59025	1.49401	-0.0900703	0.944046
XLOC_010530	ZNF557	chr19:7069470-7087978	1.85721	1.74482	-0.0900582	0.935829
XLOC_023818	CASK	chrX:41374188-41782287	1.40016	1.3155	-0.0899874	0.934043
XLOC_003388	QSER1	chr11:32914791-33001814	2.43572	2.28855	-0.0899103	0.924033
XLOC_011949	LAIR1	chr19:54865234-54876721	0.0514882	0.0483846	-0.0896933	1
XLOC_017520	N4BP3	chr5:177540555-177553107	4.19893	3.9461	-0.0895953	0.929476
XLOC_014433	BCRP2	chr22:21457304-21476575	2.97524	2.79624	-0.0895195	0.946896
XLOC_006094	MTRF1	chr13:41790515-41837713	2.66335	2.5032	-0.0894663	0.945208
XLOC_016791	CXCL3	chr4:74902311-74904490	0.390644	0.367163	-0.0894345	0.976105
XLOC_002146	ELK4	chr1:205577070-205602000	4.12181	3.87405	-0.0894333	0.945416
XLOC_009774	UBTF	chr17:42282400-42298994	18.1105	17.0236	-0.0892905	0.919354
XLOC_013255	PDE11A	chr2:178487976-178973066	0.0807399	0.0758978	-0.0892225	1
XLOC_016408	COPS4	chr4:83956238-83996971	24.8254	23.3371	-0.0891932	0.919811
XLOC_008541	C16orf58	chr16:31494438-31519706	43.7923	41.1674	-0.089174	0.9183
XLOC_004399	RAB6A	chr11:73386682-73472201	26.4499	24.8648	-0.0891598	0.917306
XLOC_021609	YTHDF3	chr8:64081120-64125346	7.98879	7.51014	-0.0891361	0.921553
XLOC_019199	PHF10	chr6:170102256-170124106	19.8465	18.6584	-0.0890548	0.947962
XLOC_012082	HADHB	chr2:26467615-26513333	71.8919	67.5883	-0.0890545	0.920331
XLOC_018199	PRRC2A	chr6:31588449-31605554	33.1729	31.1873	-0.0890428	0.916191
XLOC_018215	SKIV2L	chr6:31919863-31937532	7.65136	7.19387	-0.0889482	0.974073
XLOC_008281	ZFFM1	chr16:88520013-88601574	2.36161	2.22044	-0.0889256	0.957519
XLOC_016365	MOB1B	chr4:71768056-71853891	1.52549	1.43443	-0.0887956	0.935829
XLOC_020781	UBN2	chr7:138916230-138992982	1.14358	1.07532	-0.0887921	0.929461
XLOC_006047	CDX2	chr13:28536204-28543505	13.2447	12.4543	-0.0887705	0.930948
XLOC_010200	ME2	chr18:48405431-48476162	18.2301	17.1431	-0.0886907	0.915911
XLOC_016462	SEC24B	chr4:110351118-110461615	5.89416	5.54298	-0.0886262	0.927701
XLOC_016080	MCCC1	chr3:182733005-182817365	14.8361	13.9528	-0.0885556	0.922472
XLOC_018600	MLLT4	chr6:168227670-168372700	4.80517	4.51918	-0.0885288	0.919811
XLOC_017428	SMIM3	chr5:150157507-150176298	8.82614	8.30111	-0.0884781	0.933523
XLOC_012081	GAREML	chr2:26395959-26412532	7.07505	6.65423	-0.0884671	0.933651
XLOC_005527	GLS2	chr12:56862300-56882181	10.5198	9.89418	-0.0884614	0.949726
XLOC_017672	SMIM15	chr5:60453535-60458302	14.0038	13.1712	-0.0884262	0.917917
XLOC_008311	RHBDF1	chr16:108057-122629	18.4649	17.3674	-0.0884067	0.925922
XLOC_006111	LCP1	chr13:46700057-46756459	73.3019	68.945	-0.0884053	0.917559
XLOC_005148	RNF34	chr12:121837885-121862155	8.13433	7.6511	-0.0883559	0.938335
XLOC_014507	OSBP2	chr22:31090792-31303811	5.58875	5.25688	-0.0883169	0.930356
XLOC_009367	GLOD4	chr17:662548-695741	34.6198	32.5648	-0.0882862	0.947364
XLOC_009900	STRADA	chr17:61780191-61819330	13.5049	12.7039	-0.0882166	0.928904
XLOC_010227	PHLPP1	chr18:60382671-60647676	2.80339	2.63719	-0.0881689	0.934251
XLOC_002509	ANAPC16	chr10:73855789-73995618	21.8247	20.5318	-0.0881019	0.935543
XLOC_006254	APEX1	chr14:20923289-20925931	198.48	186.726	-0.0880705	0.919777
XLOC_009671	NR1D1	chr17:38218445-38256978	9.59824	9.02988	-0.088062	0.960067
XLOC_012806	MATN3	chr2:20191812-20212455	0.0137775	0.0129626	-0.0879492	1
XLOC_014834	RPL3	chr22:39708886-39715670	4289.17	4035.7	-0.0878797	0.934312
XLOC_004045	ZNF214	chr11:7020548-7041586	0.374565	0.352463	-0.0877438	0.968057
XLOC_000346	DMAP1	chr1:44679124-44686351	14.2236	13.3861	-0.0875458	0.935543

XLOC_008849	NDEL1	chr17:8339169-8371495	5.75695	5.41802	-0.0875377	0.935437
XLOC_011099	ZNF761	chr19:53935226-53961515	2.98981	2.81387	-0.0874967	0.937886
XLOC_024068	ZDHHC9	chrX:128937263-128977910	14.6849	13.8218	-0.0873868	0.919532
XLOC_004643	WNK1	chr12:862088-1020618	3.65469	3.44013	-0.0872822	0.925292
XLOC_011636	ZNF781	chr19:38158649-38183216	0.0560544	0.0527638	-0.0872785	1
XLOC_021665	OSGIN2	chr8:90914095-90940095	9.54214	8.98212	-0.0872562	0.922403
XLOC_016191	ADRA2C	chr4:3768295-3770253	17.1311	16.1262	-0.0872133	0.936242
XLOC_003438	LRP4-AS1	chr11:46867961-46940173	0.336908	0.317164	-0.0871253	1
XLOC_001551	ECHDC2	chr1:53361581-53387446	9.48995	8.93404	-0.0870874	0.939323
XLOC_002043	MRPS14	chr1:174982093-174992591	10.8093	10.1762	-0.0870066	0.926488
XLOC_018258	RPL10A	chr6:35436177-35438558	3337.52	3142.77	-0.0867382	0.930048
XLOC_002133	PLEKHA6	chr1:204187978-204329057	1.44834	1.36391	-0.0866579	0.943183
XLOC_005554	CTDSP2	chr12:58213709-58240747	22.3525	21.0496	-0.0866432	0.919107
XLOC_001999	CREG1	chr1:167510250-167523056	38.3816	36.1445	-0.0866384	0.919964
XLOC_021134	TMEM60	chr7:77423044-77427747	24.6462	23.2126	-0.086459	0.93571
XLOC_009149	UBE2Z	chr17:46985730-47006422	44.3335	41.755	-0.0864485	0.919765
XLOC_017326	CAMLG	chr5:134074169-134087850	53.9447	50.8094	-0.0863865	0.92085
XLOC_004273	NXF1	chr11:62559597-62572964	26.2977	24.7698	-0.0863502	0.924048
XLOC_015652	GTDC2	chr3:43120720-43147575	9.17051	8.63799	-0.086307	0.93571
XLOC_002621	FRAT1	chr10:99079021-99081672	4.11515	3.87625	-0.0862848	0.949913
XLOC_016591	CDKN2AIP	chr4:184365788-184369049	5.24806	4.94344	-0.0862665	0.939068
XLOC_002704	ADRB1	chr10:115803805-115806667	0.335916	0.316423	-0.0862443	1
XLOC_008658	FTSJD1	chr16:71316202-71323509	6.42549	6.05288	-0.0861843	0.929057
XLOC_014661	CECR5	chr22:17618409-17646335	108.24	101.974	-0.0860385	0.922503
XLOC_017227	COX7C	chr5:85913783-85916583	1257.55	1184.81	-0.0859565	0.922503
XLOC_017229	RASA1	chr5:86564069-86687743	3.02625	2.85142	-0.0858509	0.938335
XLOC_015395	LOC646903	chr3:149689065-149691029	0.135832	0.127991	-0.0857851	1
XLOC_006933	CCDC88C	chr14:91737666-91884188	3.24085	3.05378	-0.0857783	0.933523
XLOC_012789	PDIA6	chr2:10861774-10952960	121.772	114.743	-0.085765	0.922427
XLOC_022674	MAMDC4	chr9:139746818-139755251	2.52949	2.38366	-0.0856674	0.952184
XLOC_011740	ZFP112	chr19:44830705-44860856	0.776648	0.7319	-0.0856128	0.955713
XLOC_022449	ZNF169	chr9:97021577-97065291	0.669404	0.630843	-0.0855949	0.961236
XLOC_015135	PPM1M	chr3:52279808-52284615	8.82193	8.31386	-0.0855767	0.935829
XLOC_021499	BMP1	chr8:22022652-22069840	8.08952	7.62369	-0.0855647	0.934251
XLOC_006288	DHRS4	chr14:24407939-24438488	15.7702	14.8625	-0.0855314	0.952184
XLOC_010891	ZNF574	chr19:42580289-42585720	10.8599	10.2355	-0.0854273	0.933523
XLOC_010864	PLD3	chr19:40826966-40884390	49.1373	46.3158	-0.0853122	0.934043
XLOC_015352	CEP63	chr3:134196545-134293855	2.10066	1.98005	-0.0853114	0.980052
XLOC_002103	ASCL5	chr1:201083080-201084500	0.391154	0.368722	-0.085201	0.987159
XLOC_011813	NTN5	chr19:49141271-49185502	0.681333	0.642263	-0.085196	0.985748
XLOC_013499	PTPRA,VPS16	chr20:2815960-3019315	29.951	28.2346	-0.0851407	0.937886
XLOC_005268	FAM90A1	chr12:8373855-8380214	0.592875	0.558911	-0.0851086	0.968709
XLOC_004272	TMEM223	chr11:62554873-62559486	15.4557	14.5704	-0.0851034	0.975928
XLOC_006366	KTN1	chr14:56046924-56151302	14.2561	13.4399	-0.0850515	0.928392
XLOC_003553	INCENP	chr11:61891444-61920635	6.88041	6.48701	-0.0849404	0.934043
XLOC_001472	PPIEL	chr1:39957317-40025370	0.122313	0.11532	-0.0849391	1
XLOC_018604	C6orf70	chr6:170151720-170181617	7.69203	7.25229	-0.0849284	0.936242
XLOC_005595	BBS10	chr12:76738265-76742222	2.40883	2.27117	-0.0848937	0.943284
XLOC_009731	JUP	chr17:39910858-39942964	0.0409801	0.0386436	-0.084696	1

XLOC_000053	RNF207	chr1:6266188-6296044	1.87573	1.76884	-0.0846453	0.980827
XLOC_018293	TOMM6	chr6:41755180-41757634	132.1	124.575	-0.0846169	0.92475
XLOC_010868	ITPKC	chr19:41223007-41255828	6.12303	5.77438	-0.0845811	0.954981
XLOC_021795	MROH1	chr8:145202918-145316843	23.8058	22.4506	-0.0845579	0.933451
XLOC_005050	SCYL2	chr12:100661548-100733914	4.72642	4.45768	-0.0844537	0.935543
XLOC_022788	AQP3	chr9:33441151-33447631	0.195515	0.1844	-0.0844404	1
XLOC_021481	VPS37A	chr8:17104400-17271040	3.44424	3.24849	-0.0844191	0.944099
XLOC_015373	ZBTB38	chr3:141043054-141168632	2.66179	2.51063	-0.0843495	0.933384
XLOC_011186	RPL28	chr19:55897299-55903451	2097.5	1978.5	-0.0842657	0.952184
XLOC_007163	MGA	chr15:41952609-42062141	1.15721	1.09164	-0.0841448	0.935543
XLOC_006449	YLPM1	chr14:75230068-75304013	2.8762	2.71335	-0.0840851	0.933451
XLOC_003653	RHOD	chr11:66824288-66839488	71.4263	67.3856	-0.0840156	0.927701
XLOC_010448	MIDN	chr19:1248551-1259142	13.5692	12.8038	-0.0837666	0.934604
XLOC_006869	DCAF5	chr14:69517636-69619914	4.69478	4.43004	-0.0837377	0.930048
XLOC_022968	XPA	chr9:100437190-100459691	7.69167	7.25813	-0.0836997	0.940466
XLOC_018018	TRIM52	chr5:180683385-180688119	1.56942	1.48104	-0.0836225	0.956177
XLOC_007899	CLDN9	chr16:3062456-3064506	0.391196	0.36919	-0.0835277	0.977897
XLOC_013928	NECAB3	chr20:32244892-32262264	32.9325	31.0815	-0.0834581	0.93305
XLOC_004677	COPS7A	chr12:6833149-6841041	51.2624	48.3816	-0.0834442	0.925922
XLOC_011961	PTPRH	chr19:55692614-55720874	0.852913	0.804994	-0.0834206	0.962865
XLOC_002291	ZNF496	chr1:247463621-247495045	6.58587	6.21603	-0.0833798	0.944779
XLOC_000998	TMCC2	chr1:205197037-205242471	1.67107	1.57724	-0.0833692	0.957014
XLOC_010153	IMPACT	chr18:22006608-22033494	4.6388	4.37848	-0.0833219	0.933684
XLOC_009777	FAM171A2	chr17:42431100-42441235	8.41927	7.94701	-0.0832829	0.945989
XLOC_017378	PCDHB9	chr5:140566892-140571111	0.41944	0.395919	-0.0832607	0.967343
XLOC_014879	LDOC1L	chr22:44888449-44894005	6.57641	6.20777	-0.0832247	0.930062
XLOC_016952	OTUD4	chr4:146054801-146100832	4.01053	3.78603	-0.083104	0.935829
XLOC_005142	MLEC	chr12:121124948-121139667	22.0102	20.7782	-0.0831018	0.925277
XLOC_015770	CHDH	chr3:53850323-53880420	4.34062	4.09783	-0.0830404	0.940466
XLOC_001699	ALX3	chr1:110602996-110613322	1.47023	1.38804	-0.0829933	0.970452
XLOC_016809	CNOT6L	chr4:78634540-78740544	2.47049	2.33241	-0.082976	0.933426
XLOC_009027	RPL19	chr17:37356535-37360980	6068.55	5729.84	-0.0828554	0.934946
XLOC_019098	AHI1	chr6:135605109-135818903	1.59111	1.5023	-0.0828551	0.945399
XLOC_015131	PARP3	chr3:51976360-51982883	12.0904	11.416	-0.0828004	0.933369
XLOC_023724	VBP1	chrX:154444700-154468098	29.3304	27.6947	-0.0827886	0.931581
XLOC_008422	LITAF	chr16:11641577-11681322	27.604	26.0652	-0.0827526	0.926279
XLOC_006715	ACIN1	chr14:23527773-23569665	60.1061	56.756	-0.0827384	0.950251
XLOC_014708	PRAME	chr22:22890122-22901696	15.2074	14.3625	-0.0824682	0.935067
XLOC_020868	PRKAG2-AS1	chr7:151253200-151576308	16.3908	15.4807	-0.0824159	0.97664
XLOC_015432	NMD3	chr3:160939098-160969795	14.3192	13.525	-0.0823252	0.929461
XLOC_015583	NUP210	chr3:13357736-13461809	14.2375	13.4487	-0.0822356	0.926279
XLOC_017857	NDUFA2	chr5:140019011-140027370	114.953	108.586	-0.0822107	0.940327
XLOC_017448	THG1L	chr5:157158322-157166772	23.2022	21.9186	-0.0821071	0.933684
XLOC_018025	WRNIP1	chr6:2765665-2785979	35.1411	33.1979	-0.0820659	0.924931
XLOC_003399	PDHX	chr11:34903842-35017675	10.5671	9.98335	-0.0819774	0.953159
XLOC_005722	C12orf49	chr12:117153595-117175843	6.91653	6.53497	-0.0818673	0.93855
XLOC_022242	SLC39A4	chr8:145637797-145642273	38.4125	36.2937	-0.0818592	0.932768
XLOC_003912	ST3GAL4	chr11:126225539-126284536	18.7919	17.7554	-0.0818523	0.933451
XLOC_012640	PNKD	chr2:219135114-219211516	45.9965	43.4599	-0.0818398	0.981441

XLOC_021092	PMS2P4	chr7:66741117-66767429	1.19095	1.12529	-0.0818158	0.975654
XLOC_020634	ZSCAN25	chr7:99214570-99230030	3.17468	2.99965	-0.0818151	0.940466
XLOC_014683	ARVCF	chr22:19863039-20004309	13.5162	12.772	-0.0816973	0.976134
XLOC_010659	TPM4	chr19:16178316-16213813	249.156	235.439	-0.0816931	0.933451
XLOC_013699	SLC2A10	chr20:45338278-45364985	2.41864	2.28582	-0.0814845	0.945399
XLOC_013234	SP3	chr2:174771186-174830430	5.36196	5.06769	-0.0814317	0.928363
XLOC_008136	CPNE2	chr16:57126454-57181878	29.5137	27.8971	-0.081269	0.92921
XLOC_002720	NANOS1	chr10:120789227-120793854	2.81468	2.66061	-0.0812126	0.940991
XLOC_014516	SFI1	chr22:31892124-32026810	7.10082	6.71219	-0.0812031	0.970321
XLOC_016090	THPO	chr3:184089772-184095932	0.247609	0.234058	-0.081198	1
XLOC_002511	MCU	chr10:74451888-74647452	6.46866	6.11497	-0.0811208	0.937886
XLOC_001360	IFNLR1	chr1:24480646-24513765	1.50245	1.4203	-0.0811142	0.953159
XLOC_017987	AGXT2L2	chr5:177631507-177659803	10.0901	9.53846	-0.0811089	0.985768
XLOC_008285	SNAI3-AS1	chr16:88729780-88753594	1.40373	1.32703	-0.0810583	0.981975
XLOC_005931	BORA	chr13:73302041-73590591	4.26681	4.03431	-0.080837	0.977897
XLOC_013141	HS6ST1	chr2:129023053-129076171	11.3374	10.7196	-0.0808354	0.934331
XLOC_020382	AHR	chr7:17338275-17385775	0.30492	0.288307	-0.0808235	1
XLOC_008403	GLYR1	chr16:4853203-4897303	11.2361	10.624	-0.0808135	0.933369
XLOC_003680	PPFIA1	chr11:70116805-70230607	5.58914	5.28505	-0.080709	0.935543
XLOC_022146	EIF3H	chr8:117657054-117768062	567.886	537	-0.0806803	0.933617
XLOC_004252	TMEM258	chr11:61556601-61560085	493.907	467.048	-0.0806699	0.928904
XLOC_004926	MYL6	chr12:56552044-56555366	815.232	770.914	-0.0806412	0.931457
XLOC_021951	FUT10	chr8:33228343-33330664	2.84972	2.6948	-0.0806397	0.945208
XLOC_018679	HIST1H1C	chr6:26055967-26056699	44.9805	42.5385	-0.0805301	0.940421
XLOC_022317	ANXA2P2	chr9:33624222-33625532	4.30648	4.0727	-0.0805232	0.953488
XLOC_018481	RNF217	chr6:125304513-125404661	0.501088	0.473887	-0.0805211	0.974073
XLOC_002140	DSTYK	chr1:205111630-205180727	1.85806	1.75722	-0.0805087	0.940327
XLOC_007375	SCAND2P	chr15:85174690-85185694	2.62823	2.48571	-0.0804343	0.946021
XLOC_018814	CUTA	chr6:33384318-33386065	299.102	282.886	-0.0804192	0.933684
XLOC_008214	SF3B3	chr16:70557690-70611571	24.2941	22.977	-0.0804191	0.929053
XLOC_007117	FAN1	chr15:31196054-31283807	3.19688	3.02359	-0.0803994	0.952355
XLOC_005027	PLXNC1	chr12:94542498-94701451	0.551341	0.521469	-0.0803638	0.965052
XLOC_007198	SQRDL	chr15:45923345-45983492	10.992	10.3967	-0.0803304	0.939323
XLOC_001638	GTF2B	chr1:89318320-89357301	17.0482	16.1252	-0.0803058	0.935507
XLOC_003328	SBF2-AS1	chr11:9776316-10315754	2.60745	2.46634	-0.080267	0.974573
XLOC_012619	PIKFYVE	chr2:209130990-209223475	1.42044	1.34358	-0.0802582	0.942197
XLOC_023297	PRDX4	chrX:23685644-23704514	220.992	209.039	-0.0802226	0.93053
XLOC_002465	CISD1	chr10:60028861-60049019	11.6721	11.0415	-0.0801256	0.934331
XLOC_001523	LRRC41	chr1:46713366-46769038	30.9502	29.28	-0.0800367	0.941566
XLOC_007966	COQ7	chr16:19078916-19091417	3.5992	3.40499	-0.0800248	0.947962
XLOC_013639	SRC	chr20:35973087-36033821	19.2721	18.2324	-0.0800084	0.929727
XLOC_001319	AKR7A3	chr1:19609056-19615280	10.864	10.2782	-0.0799713	0.948368
XLOC_013689	DNTTIP1	chr20:44420575-44440066	81.2522	76.8755	-0.0798837	0.931457
XLOC_014865	POLDIP3	chr22:42979726-43010962	27.4891	26.0107	-0.0797533	0.928178
XLOC_006001	CUL4A	chr13:113863085-113919392	17.7889	16.8325	-0.0797252	0.932848
XLOC_020620	BHLHA15	chr7:97841565-97842271	2.10332	1.99026	-0.0797105	0.97664
XLOC_006274	ABHD4	chr14:23067146-23081265	7.47647	7.07477	-0.0796739	0.942352
XLOC_000231	PHACTR4	chr1:28696092-28826881	4.00582	3.79091	-0.0795564	0.934331
XLOC_017709	AP3B1	chr5:77298149-77590579	5.80655	5.49528	-0.0794886	0.933523

XLOC_020653	PCOLCE	chr7:100183955-100205798	15.5584	14.7253	-0.0793992	0.945208
XLOC_002459	FAM21A,FAM21B	chr10:51827683-51893269	1.7906	1.69487	-0.0792714	0.948523
XLOC_006162	MYCBP2	chr13:77618791-77901177	1.46059	1.38254	-0.0792238	0.937373
XLOC_010834	SPRED3	chr19:38880839-38890523	1.73034	1.63789	-0.0792171	0.951891
XLOC_023071	GOLGA1	chr9:127640572-127703386	5.18717	4.91108	-0.0789079	0.936242
XLOC_013127	TFCP2L1	chr2:121974163-122042778	0.865942	0.819911	-0.0788039	0.952184
XLOC_000176	RPL11	chr1:24018268-24022915	4337.57	4107.03	-0.0787901	0.939356
XLOC_008890	GID4	chr17:17942610-17971718	4.15552	3.9348	-0.0787385	0.942091
XLOC_006698	CHD8	chr14:21853352-21905457	3.50969	3.32328	-0.0787335	0.93571
XLOC_015475	DVL3	chr3:183873283-183891314	16.9001	16.0028	-0.0787109	0.933369
XLOC_023334	USP9X	chrX:40944887-41095832	6.34797	6.01131	-0.0786163	0.931035
XLOC_003315	EIF3F	chr11:8008866-8017719	421.272	398.942	-0.078572	0.934043
XLOC_008836	CYB5D1	chr17:7760002-7765600	5.47621	5.18605	-0.0785433	0.96385
XLOC_012791	ROCK2	chr2:11321777-11484711	1.14739	1.08662	-0.078504	0.950251
XLOC_000491	SH3GLB1	chr1:87170252-87213867	8.76818	8.30421	-0.0784344	0.931457
XLOC_017351	CXXC5	chr5:139028300-139062680	4.62762	4.38285	-0.0784	0.962754
XLOC_009044	CASC3	chr17:38296506-38328431	24.8918	23.5754	-0.07839	0.933465
XLOC_013673	PKIG	chr20:43160435-43247678	24.8905	23.5747	-0.0783606	0.941849
XLOC_005600	PPP1R12A	chr12:80167342-80329235	4.06909	3.85408	-0.0783201	0.935095
XLOC_024183	RENBP	chrX:153200721-153210232	0.415874	0.393909	-0.0782816	0.978031
XLOC_005749	CAMKK2	chr12:121675494-121736111	10.3246	9.77969	-0.078232	0.935988
XLOC_002003	ANKRD36BP1	chr1:168214818-168216668	0.113847	0.107838	-0.0782196	1
XLOC_011738	LOC100379224	chr19:44598481-44617336	1.91025	1.80955	-0.0781315	0.953159
XLOC_022270	RCL1	chr9:4792833-4861064	13.088	12.3984	-0.078084	0.935829
XLOC_005740	TRIAP1	chr12:120881763-120884215	23.0362	21.8243	-0.0779726	0.935829
XLOC_004071	RNF141	chr11:10533224-10562774	3.88804	3.68353	-0.0779572	0.940766
XLOC_009855	MMD	chr17:53469973-53499341	2.34784	2.22473	-0.0777053	0.952795
XLOC_008444	ARL6IP1	chr16:18802990-18812857	69.0069	65.3886	-0.077702	0.933451
XLOC_015344	UBA5	chr3:132276981-132593050	10.2595	9.72178	-0.0776686	0.959358
XLOC_014231	TEKT4P2	chr21:9907188-9968593	9.32038	8.83259	-0.0775519	0.964843
XLOC_006492	CPSF2	chr14:92588297-92630543	6.69081	6.34069	-0.0775409	0.934861
XLOC_018844	MTCH1	chr6:36935910-36954327	28.14	26.6705	-0.0773803	0.935543
XLOC_022891	RFK	chr9:79000432-79009444	10.4981	9.95001	-0.0773599	0.937886
XLOC_000650	CHD1L	chr1:146714290-146767447	33.1609	31.4297	-0.0773586	0.933736
XLOC_012780	MBOAT2	chr2:8996700-9143876	4.71071	4.46488	-0.0773231	0.940466
XLOC_018982	SNHG5	chr6:86386724-86388451	1416.83	1342.92	-0.0772847	0.935543
XLOC_013727	CSTF1	chr20:54967426-54979582	12.6756	12.0149	-0.0772219	0.938516
XLOC_013626	ERGIC3	chr20:34129777-34145405	150.239	142.413	-0.0771796	0.933736
XLOC_001028	DIEXF	chr1:210001311-210030910	4.18106	3.96329	-0.0771696	0.935808
XLOC_013166	ZRANB3	chr2:135957573-136288806	0.484329	0.459113	-0.0771388	0.967296
XLOC_014889	CDPF1	chr22:46639909-46646193	5.31614	5.03937	-0.0771347	0.953524
XLOC_019057	GOPC	chr6:117803819-117923705	5.10145	4.8359	-0.0771239	0.939068
XLOC_002243	EXOC8	chr1:231468481-231473578	2.17367	2.06062	-0.0770532	0.948369
XLOC_015680	CSPG5	chr3:47603727-47621730	1.27737	1.21095	-0.0770418	0.967343
XLOC_011725	PHLDB3	chr19:43979254-44008985	8.86937	8.40822	-0.0770301	0.945399
XLOC_003302	ILK	chr11:6624963-6633475	64.3347	60.9955	-0.0768935	0.950064
XLOC_013441	PER2	chr2:239152678-239197207	1.91757	1.81805	-0.0768825	0.950064
XLOC_005886	NUDT15	chr13:48611702-48621282	9.42316	8.93453	-0.0768188	0.942378
XLOC_022588	CERCAM	chr9:131182758-131199630	76.8208	72.8415	-0.076738	0.935507

XLOC_005978	BIVM,BIVM-ERCC	chr13:103436630-103528351	17.5416	16.6332	-0.0767194	0.938925
XLOC_006901	TMED10	chr14:75598170-75643349	25.8936	24.5535	-0.0766693	0.933717
XLOC_013516	PCNA-AS1	chr20:5095598-5107268	47.3703	44.9199	-0.0766273	0.985283
XLOC_020411	HOXA11-AS	chr7:27225026-27228912	1.96646	1.86476	-0.0766141	0.971173
XLOC_002441	FAM21B	chr10:47894022-47949417	1.09742	1.04068	-0.0765917	0.956177
XLOC_000828	SDHC	chr1:161284165-161337673	36.3944	34.516	-0.0764517	0.934861
XLOC_020880	RBM33	chr7:155437202-155574179	3.77285	3.57854	-0.0762807	0.937401
XLOC_022288	CCDC171	chr9:15553096-15971897	0.361963	0.343329	-0.0762512	1
XLOC_005747	C12orf43	chr12:121440847-121454300	6.30762	5.98297	-0.0762342	0.949638
XLOC_015656	KIAA1143	chr3:44790235-44803173	8.6818	8.23495	-0.0762334	0.935543
XLOC_005126	RFC5	chr12:118454505-118470042	12.6129	11.9638	-0.0762329	0.938489
XLOC_018050	TMEM14C	chr6:10723147-10731362	165.45	156.939	-0.0761917	0.935217
XLOC_017259	WDR36	chr5:110427869-110466200	6.57888	6.24128	-0.0759983	0.935829
XLOC_023760	TRAPPC2	chrX:13730360-13752754	11.2194	10.6441	-0.0759449	0.939356
XLOC_018463	RSPH4A	chr6:116937641-116954148	0.209027	0.198309	-0.0759422	1
XLOC_011655	SARS2	chr19:39405903-39423659	16.346	15.5086	-0.0758703	0.975484
XLOC_017139	MAP3K1	chr5:56110899-56191978	0.799547	0.758614	-0.075816	0.954397
XLOC_011979	NLRP11	chr19:56296762-56393220	0.395247	0.375015	-0.0758084	0.970185
XLOC_005404	RPAP3	chr12:48055714-48099844	5.12663	4.86496	-0.0755825	0.943284
XLOC_009819	HOXB6	chr17:46667822-46683774	5.87124	5.57171	-0.0755449	0.965398
XLOC_002136	PIK3C2B	chr1:204391757-204459474	1.43956	1.36623	-0.0754203	0.951854
XLOC_009604	COPRS	chr17:30178883-30186326	112.821	107.076	-0.0753996	0.935543
XLOC_002112	ARL8A	chr1:202102531-202113871	24.5876	23.3373	-0.075295	0.938489
XLOC_004924	ESYT1	chr12:56521985-56538460	37.1511	35.2633	-0.0752405	0.937886
XLOC_011222	ZNF548	chr19:57901217-57913919	1.36522	1.29602	-0.0750472	0.953159
XLOC_014026	ADNP	chr20:49506882-49547527	10.9322	10.3783	-0.0750094	0.935766
XLOC_002057	LOC100527964	chr1:180199432-180244188	1.60069	1.51966	-0.0749379	0.9682
XLOC_009351	SLC16A3	chr17:80186281-80197375	211.61	200.918	-0.0748026	0.937886
XLOC_022352	POLR1E	chr9:37485944-37503693	39.1016	37.1265	-0.0747786	0.935543
XLOC_022498	RAD23B	chr9:110045516-110094475	50.3381	47.797	-0.0747317	0.935507
XLOC_014435	RIMBP3C	chr22:21737662-21743455	0.0339428	0.0322321	-0.07461	1
XLOC_022734	BNC2	chr9:16409500-16870786	0.813385	0.772441	-0.0745127	0.948523
XLOC_008822	TNFSF12,TNFSF1	chr17:7452374-7464925	16.334	15.5121	-0.0744883	0.948368
XLOC_024169	CETN2	chrX:151995870-151999301	29.6369	28.146	-0.074463	0.939319
XLOC_023193	TMEM203	chr9:140098534-140100090	66.1554	62.8356	-0.0742768	0.936418
XLOC_009492	STX8	chr17:9153787-9479275	40.5119	38.4792	-0.0742692	0.940964
XLOC_015266	ZDHHC23	chr3:113666747-113681827	3.41627	3.24496	-0.0742202	0.948075
XLOC_018171	PRR3	chr6:30509154-30532473	5.71865	5.43245	-0.0740711	0.97822
XLOC_012176	MSH6	chr2:48010220-48132932	6.71734	6.38125	-0.0740518	0.96692
XLOC_000043	TP73	chr1:3569128-3663937	3.34996	3.18242	-0.0740235	0.950064
XLOC_021146	TMEM243	chr7:86781676-86849031	14.5181	13.7928	-0.0739354	0.963608
XLOC_011317	DAPK3	chr19:3958451-3969826	125.409	119.148	-0.0738826	0.935543
XLOC_012076	NCOA1	chr2:24807345-24993570	1.98218	1.88326	-0.0738555	0.9473
XLOC_013476	SOX12	chr20:306214-310872	19.2504	18.2899	-0.073842	0.936799
XLOC_017808	C5orf15	chr5:133291197-133304406	10.8048	10.2657	-0.0738391	0.943721
XLOC_003193	EBF3	chr10:131633495-131762091	0.0468485	0.0445116	-0.0738227	1
XLOC_022351	GRHPR	chr9:37422706-37436986	118.093	112.209	-0.0737424	0.93578
XLOC_014161	DOPEY2	chr21:37536838-37666572	1.52212	1.44627	-0.0737369	0.952233
XLOC_017801	SEPT8	chr5:132083136-132113561	9.03301	8.58328	-0.0736774	0.939451

XLOC_008471	USP31	chr16:23072727-23160591	1.60175	1.52204	-0.0736425	0.945597
XLOC_015357	NCK1	chr3:136581049-136667968	6.51713	6.19286	-0.0736301	0.950089
XLOC_021560	ADAM32	chr8:38965049-39142436	0.0248235	0.0235884	-0.0736272	1
XLOC_015238	ALCAM	chr3:105085556-105295757	6.32492	6.01053	-0.0735534	0.940466
XLOC_012500	PPIG	chr2:170440849-170494254	7.33548	6.97097	-0.0735324	0.943284
XLOC_004034	TRIM3	chr11:6469842-6495689	3.54324	3.36718	-0.0735273	0.955413
XLOC_006359	CDKN3	chr14:54863672-54886934	35.6436	33.8737	-0.0734806	0.943024
XLOC_000362	MMACHC	chr1:45965855-45988562	4.01527	3.81589	-0.0734778	0.987377
XLOC_021480	ZDHHC2	chr8:17013835-17080241	6.5702	6.24414	-0.073434	0.943414
XLOC_017094	PDZD2	chr5:31799030-32111038	0.002734	0.00259836	-0.0734148	1
XLOC_011728	IRGQ	chr19:44088518-44100287	2.18295	2.07473	-0.0733551	0.945857
XLOC_014920	SETMAR	chr3:4344987-4358949	5.16244	4.9066	-0.0733292	0.957484
XLOC_004925	MYL6B	chr12:56546203-56551771	119.686	113.758	-0.0732904	0.936242
XLOC_018612	GMD5	chr6:1624034-2245868	18.2998	17.3938	-0.0732554	0.945208
XLOC_000135	CROCC	chr1:17248444-17299474	5.57467	5.2989	-0.0731956	0.944033
XLOC_012167	RHOQ	chr2:46769866-46844251	15.8472	15.0635	-0.0731758	0.945399
XLOC_020643	LAMTOR4	chr7:99746529-99751833	282.567	268.594	-0.0731668	0.936242
XLOC_007872	TRAF7	chr16:2205798-2246465	33.7999	32.1295	-0.0731119	0.949526
XLOC_004916	RAB5B	chr12:56367696-56390467	10.5101	9.99084	-0.0731026	0.939356
XLOC_013664	IFT52	chr20:42219578-42275862	12.8107	12.1778	-0.0730949	0.945399
XLOC_009107	C17orf104	chr17:42733761-42753165	0.0891648	0.0847626	-0.0730471	1
XLOC_014504	MTFP1	chr22:30821610-30825041	132.452	125.917	-0.0730001	0.938335
XLOC_023946	RLIM	chrX:73802810-73834461	4.5072	4.28482	-0.0729939	0.939356
XLOC_008533	PRSS53	chr16:31085742-31100130	4.17027	3.96462	-0.0729578	0.974348
XLOC_012514	DLX1	chr2:172950207-172954401	5.021	4.77343	-0.0729496	0.955832
XLOC_001769	CD160	chr1:145695797-145715565	0.125056	0.118899	-0.0728483	1
XLOC_005193	SFSWAP	chr12:132195631-132284283	8.96211	8.52114	-0.0727909	0.943284
XLOC_008904	PRPSAP2	chr17:18759611-18834599	22.0249	20.9429	-0.0726711	0.938649
XLOC_017530	MAML1	chr5:179159850-179204287	5.35579	5.09276	-0.0726516	0.943183
XLOC_009407	C17orf85	chr17:3710044-3749545	2.70681	2.57394	-0.0726114	0.944779
XLOC_020873	ACTR3B	chr7:152456833-152552464	12.8928	12.2601	-0.0725945	0.945581
XLOC_010053	RFNG	chr17:80005777-80009650	69.2779	65.8783	-0.0725928	0.937886
XLOC_004057	TRIM66	chr11:8633583-8680383	0.59097	0.561978	-0.0725728	0.959927
XLOC_006965	ATG2B	chr14:96747594-96829678	1.18256	1.12455	-0.0725667	0.950089
XLOC_021975	KAT6A	chr8:41786996-41909505	3.32776	3.16501	-0.0723394	0.941566
XLOC_009958	FDXR	chr17:72858618-72869156	44.401	42.2325	-0.0722395	0.941934
XLOC_019065	SERINC1	chr6:122764492-122792952	17.6242	16.764	-0.0721888	0.93855
XLOC_006495	GOLGA5	chr14:93260649-93306304	7.13276	6.78476	-0.072161	0.9444
XLOC_018629	LYRM4	chr6:5108652-5261172	22.3675	21.2795	-0.0719389	0.943183
XLOC_005122	LINC00173	chr12:116971226-116974318	0.224035	0.21314	-0.07192	1
XLOC_014397	SLC25A18	chr22:18043182-18073647	0.106313	0.101143	-0.0719162	1
XLOC_001802	GOLPH3L	chr1:150618700-150669672	5.42418	5.1605	-0.0718925	0.947923
XLOC_014479	ADRBK2	chr22:25960860-26125258	0.439494	0.418169	-0.0717562	0.961459
XLOC_003044	FLJ37201	chr10:91451056-91457685	0.0397865	0.0378561	-0.0717526	1
XLOC_003778	CEP57	chr11:95523624-95565857	9.51489	9.05325	-0.0717511	0.943024
XLOC_024097	FAM122B	chrX:133903595-133988641	5.20123	4.94937	-0.0716075	0.951891
XLOC_001014	PFKFB2	chr1:207226619-207254368	1.66595	1.58533	-0.0715592	0.952978
XLOC_011012	SNRNP70	chr19:49588464-49611870	108.348	103.113	-0.0714456	0.938335
XLOC_015754	WDR82	chr3:52288437-52312659	16.0553	15.2797	-0.0714285	0.940991

XLOC_007620	HERC1	chr15:63900816-64126147	0.615128	0.585445	-0.0713537	0.952772
XLOC_008191	PLA2G15	chr16:68279246-68294961	10.7955	10.2746	-0.071341	0.947567
XLOC_018973	IBTK	chr6:82879955-82957448	4.68465	4.45869	-0.0713222	0.94188
XLOC_012207	AFTPH	chr2:64751438-64820138	6.13718	5.84119	-0.0713145	0.943721
XLOC_011607	U2AF1L4	chr19:36233427-36236336	2.89138	2.75194	-0.071308	0.973011
XLOC_018829	TCP11	chr6:35085848-35109187	0.0194133	0.0184777	-0.0712557	1
XLOC_015244	DZIP3	chr3:108268717-108413693	1.07505	1.02326	-0.0712253	0.974573
XLOC_022628	C9orf9	chr9:135754289-135765418	10.5492	10.0412	-0.0712075	0.961236
XLOC_003846	ATP5L	chr11:118230295-118289530	148.112	140.98	-0.0711918	0.948799
XLOC_012781	ITGB1BP1	chr2:9545814-9563643	28.2152	26.8574	-0.0711494	0.942184
XLOC_023912	OPHN1	chrX:67262185-67653299	1.93465	1.84169	-0.071041	0.950837
XLOC_016917	ANXA5	chr4:122589151-122618147	265.532	252.785	-0.0709783	0.939651
XLOC_013257	FKBP7	chr2:179059207-179672150	1.60986	1.53258	-0.0709731	0.987007
XLOC_006422	ADAM21	chr14:70918873-70926622	0.0854709	0.0813685	-0.0709619	1
XLOC_007362	WHAMM	chr15:83477972-83503613	4.93807	4.70125	-0.070904	0.949388
XLOC_014841	MKL1	chr22:40766594-41032690	4.02486	3.83189	-0.0708809	0.975043
XLOC_012225	SNRNP27	chr2:70121074-70132368	20.5253	19.5414	-0.0708733	0.944869
XLOC_008129	MT1X	chr16:56716381-56718108	2077.67	1978.12	-0.0708387	0.943838
XLOC_001386	WASF2	chr1:27730733-27816678	18.0097	17.1479	-0.0707385	0.939356
XLOC_009558	TMEM11	chr17:21101262-21117908	23.8776	22.7354	-0.0707207	0.949
XLOC_022824	SPAG8	chr9:35792405-35812259	0.0803327	0.0764899	-0.0707171	1
XLOC_007178	CKMT1B	chr15:43663312-43910998	13.2365	12.6054	-0.0704891	0.975928
XLOC_008959	GOSR1	chr17:28804425-28853832	5.52234	5.25928	-0.0704158	0.945208
XLOC_002402	C10orf68,CCDC7	chr10:32735040-33171792	0.600561	0.571965	-0.0703854	0.975023
XLOC_014699	PI4KAP2	chr22:21827286-21871780	12.0351	11.4621	-0.0703748	0.948523
XLOC_003764	C11orf54	chr11:93474792-93496247	4.32181	4.11632	-0.0702798	0.952674
XLOC_012224	GMCL1	chr2:70056817-70106727	2.09643	1.99706	-0.0700577	0.960821
XLOC_008699	HSDL1	chr16:84155743-84178800	6.27024	5.97324	-0.070006	0.946416
XLOC_023301	ZFX	chrX:24164341-24234372	2.11244	2.01246	-0.0699487	0.950862
XLOC_013067	LYG1	chr2:99900700-99917639	2.68037	2.55398	-0.069859	0.970533
XLOC_000076	PGD	chr1:10459084-10480201	113.988	108.618	-0.0696296	0.943038
XLOC_008882	USP32P1	chr17:16690205-16707819	0.129905	0.123785	-0.0696291	1
XLOC_009517	TRIM16	chr17:15531279-15586193	3.61226	3.44222	-0.0695625	0.957719
XLOC_023587	PGRMC1	chrX:118370210-118378429	97.2685	92.6908	-0.0695471	0.942533
XLOC_013708	ZFAS1	chr20:47862438-47905795	718.278	684.474	-0.0695456	0.945399
XLOC_023854	PRICKLE3	chrX:49031905-49042776	13.9415	13.2859	-0.0694949	0.952184
XLOC_012930	USP34	chr2:61404554-61697849	2.90154	2.76535	-0.0693593	0.952233
XLOC_021333	MTPN	chr7:135611502-135662204	35.9303	34.245	-0.0693061	0.944033
XLOC_003410	TTC17	chr11:43380434-43516483	7.88375	7.51403	-0.0692955	0.943284
XLOC_023478	CHIC1	chrX:72782983-72906937	0.984677	0.938504	-0.0692871	0.958439
XLOC_018262	LHFPL5	chr6:35773070-35791852	0.0530337	0.0505474	-0.0692727	1
XLOC_006168	RBM26	chr13:79894099-79979923	6.7882	6.47016	-0.0692269	0.945597
XLOC_008996	RASL10B	chr17:34058678-34070540	9.92667	9.46175	-0.0692034	0.948523
XLOC_008958	CPD	chr17:28705941-28796675	4.32929	4.12674	-0.0691287	0.940466
XLOC_013983	TOMM34	chr20:43570770-43589114	88.4446	84.3092	-0.069085	0.943414
XLOC_016263	PI4K2B	chr4:25235652-25280831	2.82061	2.68904	-0.0689138	0.953231
XLOC_000712	LCE1F	chr1:152748847-152749445	0.431295	0.411185	-0.0688859	0.983243
XLOC_004473	GPR83	chr11:94110476-94134585	0.189527	0.180691	-0.0688827	1
XLOC_015381	U2SURP	chr3:142720371-142779567	8.21163	7.82898	-0.0688444	0.943748

XLOC_008633	PSMB10	chr16:67968406-67970780	42.6329	40.6516	-0.0686558	0.950064
XLOC_000443	SGIP1	chr1:66999824-67210768	0.971455	0.926431	-0.0684641	0.965185
XLOC_001008	RASSF5	chr1:206680878-206762616	0.68217	0.650567	-0.0684352	0.971768
XLOC_015533	FBXO45	chr3:196295724-196315930	3.62154	3.45383	-0.0684078	0.946375
XLOC_009961	HID1	chr17:72946838-72968900	17.7446	16.9229	-0.0684001	0.945208
XLOC_021880	LONRF1	chr8:12579405-12612992	3.13815	2.99287	-0.0683866	0.954501
XLOC_023527	BHLHB9	chrX:101975641-102007369	0.11174	0.106567	-0.0683812	1
XLOC_005533	NACA	chr12:57106210-57119326	1206.08	1150.27	-0.0683523	0.945416
XLOC_014873	TTLL12	chr22:43562627-43583137	54.7483	52.2157	-0.0683309	0.944658
XLOC_016151	DLG1	chr3:196769430-197030621	3.56352	3.3988	-0.0682764	0.950837
XLOC_016155	KIAA0226	chr3:197398258-197511317	2.84123	2.70995	-0.0682488	0.975484
XLOC_006413	RAD51B	chr14:68286495-69062738	5.32931	5.08364	-0.068087	0.958285
XLOC_022017	ARMC1	chr8:66514690-66546452	11.0968	10.5853	-0.0680851	0.946021
XLOC_016953	ZNF827	chr4:146681887-146859607	0.259479	0.247518	-0.0680826	1
XLOC_014033	ZFP64	chr20:50700549-50808524	5.87196	5.60152	-0.0680241	0.954143
XLOC_005663	C12orf73	chr12:104343980-104350993	2.74919	2.62259	-0.0680157	0.96715
XLOC_018364	BAG2	chr6:57037103-57050012	22.0632	21.0475	-0.0679982	0.945399
XLOC_010121	GNAL	chr18:11689013-11908796	3.51686	3.35504	-0.0679591	0.976572
XLOC_009530	PEMT	chr17:17408876-17495017	70.9209	67.6583	-0.0679438	0.945416
XLOC_010535	PNPLA6	chr19:7599037-7626653	29.3157	27.9698	-0.0678013	0.945597
XLOC_012234	MPHOSPH10	chr2:71357443-71377232	8.91966	8.5103	-0.0677785	0.947923
XLOC_013348	FN1	chr2:216225178-216300791	0.0246643	0.0235344	-0.0676569	1
XLOC_003708	PAAF1	chr11:73583712-73638781	16.0623	15.3272	-0.0675825	0.97562
XLOC_012783	YWHAQ	chr2:9724105-9771106	154.99	147.898	-0.0675767	0.945597
XLOC_014163	CHAF1B	chr21:37757688-37789125	8.61787	8.22395	-0.0675	0.951854
XLOC_006521	AK7	chr14:96858447-96955764	0.186042	0.177546	-0.0674412	1
XLOC_013934	NCOA6	chr20:33302577-33413433	3.2024	3.05622	-0.0674025	0.952795
XLOC_018403	C6orf164	chr6:88106841-88109459	0.116191	0.110904	-0.0671902	1
XLOC_008193	PRMT7	chr16:68344876-68391169	12.3355	11.7744	-0.0671635	0.951036
XLOC_001588	JAK1	chr1:65210777-65432187	14.6293	13.9642	-0.06713	0.952184
XLOC_016505	C4orf33	chr4:130014828-130033843	5.01017	4.78249	-0.067099	0.957663
XLOC_003840	CEP164	chr11:117192493-117283982	2.52209	2.40748	-0.0670925	0.953598
XLOC_008647	NOB1	chr16:69775756-69788871	144.239	137.685	-0.0670889	0.945399
XLOC_016957	PRMT10	chr4:148559533-148605280	2.21343	2.11331	-0.066777	0.95935
XLOC_015197	CHMP2B	chr3:87276412-87304698	16.7587	16.0007	-0.0667764	0.945887
XLOC_017160	PIK3R1	chr5:67511583-67597649	0.990575	0.94582	-0.0667003	0.960529
XLOC_024046	LAMP2	chrX:119560002-119603204	12.9671	12.382	-0.0666176	0.945208
XLOC_012057	TRIB2	chr2:12856997-12882858	0.86526	0.826269	-0.0665208	0.971663
XLOC_011894	ETFB	chr19:51848408-51869672	95.8486	91.5325	-0.0664732	0.945399
XLOC_006525	CCNK	chr14:99947738-100070727	16.683	15.9341	-0.0662598	0.971057
XLOC_010301	ROCK1	chr18:18529702-18691812	2.59545	2.47894	-0.0662573	0.952163
XLOC_006289	DHRS4L2	chr14:24439082-24475617	13.2915	12.6949	-0.0662568	0.955713
XLOC_012211	CEP68	chr2:65283494-65357435	2.68782	2.56732	-0.0661731	0.982866
XLOC_012391	LOC654433	chr2:113973573-114036498	2.45868	2.34864	-0.0660542	0.975928
XLOC_004917	SUOX	chr12:56391042-56399309	5.50172	5.25562	-0.0660223	0.956273
XLOC_004944	MBD6	chr12:57916658-57941114	12.2133	11.6674	-0.065977	0.978818
XLOC_021237	POLR2J2,UPK3Bl	chr7:102277194-102312176	46.5111	44.4332	-0.0659385	0.945887
XLOC_002347	CAMK1D	chr10:12391582-12871733	3.6838	3.51953	-0.0658086	0.963969
XLOC_014643	SELO	chr22:50639407-50656045	24.1463	23.07	-0.0657834	0.950513

XLOC_009169	SPATA20	chr17:48624449-48633213	36.4688	34.8461	-0.0656651	0.947567
XLOC_017838	CDC25C	chr5:137620958-137667516	5.29601	5.06043	-0.0656479	0.957728
XLOC_022120	ANKRD46	chr8:101521979-101572014	3.59032	3.43064	-0.0656332	0.956896
XLOC_004249	CPSF7	chr11:61170119-61197464	15.1227	14.4504	-0.0656057	0.947795
XLOC_022612	FUBP3	chr9:133454959-133513739	21.2466	20.3023	-0.0655859	0.945568
XLOC_020973	SKAP2	chr7:26706687-26904341	4.06781	3.88711	-0.0655545	0.952795
XLOC_011049	MYH14	chr19:50706884-50813801	5.00222	4.78036	-0.065449	0.952392
XLOC_024075	LOC286467	chrX:130836677-130964671	0.894877	0.855224	-0.0653876	0.971057
XLOC_022567	RALGPS1	chr9:129677052-129985445	0.894059	0.854444	-0.0653839	0.973687
XLOC_004264	B3GAT3	chr11:62382767-62389647	34.9834	33.4335	-0.0653766	0.946021
XLOC_009013	DUSP14	chr17:35849950-35873588	37.7019	36.0343	-0.0652655	0.948304
XLOC_021496	EPB49	chr8:21911080-21940036	19.4739	18.6126	-0.0652635	0.950837
XLOC_021801	ADCK5	chr8:145597730-145634733	20.1331	19.2432	-0.0652226	0.979006
XLOC_020988	CPVL	chr7:29019582-29186153	12.5691	12.0138	-0.0651943	0.951891
XLOC_005104	ACAD10	chr12:112123856-112194911	2.13279	2.0387	-0.0650924	0.961236
XLOC_008151	MMP15	chr16:58059281-58080804	6.64489	6.35202	-0.0650287	0.954167
XLOC_005406	RAPGEF3	chr12:48128452-48152889	0.563941	0.539109	-0.0649674	0.970994
XLOC_000514	DR1	chr1:93811477-93828148	15.7477	15.0554	-0.0648611	0.947923
XLOC_015947	TMCC1	chr3:129366634-129612419	1.10939	1.06064	-0.0648435	0.962068
XLOC_016640	MFSD10	chr4:2932287-2936586	165.861	158.58	-0.0647628	0.945887
XLOC_002460	ASAH2B	chr10:52499687-52514569	0.201617	0.192766	-0.0647627	1
XLOC_020838	ZNF282	chr7:148892576-148923339	23.3321	22.3083	-0.0647384	0.947567
XLOC_006018	GJA3	chr13:20712394-20735183	0.739926	0.707484	-0.0646831	0.970185
XLOC_010166	RNF138	chr18:29671817-29711524	8.33838	7.97292	-0.0646599	0.952101
XLOC_002214	SDE2	chr1:226170402-226187066	4.15935	3.97713	-0.0646294	0.954276
XLOC_005645	IKBIP	chr12:99007181-99038829	13.1644	12.5879	-0.0646054	0.956177
XLOC_012332	PDCL3	chr2:101179417-101193201	15.6498	14.9649	-0.0645651	0.953195
XLOC_000686	C1orf56	chr1:151020258-151032125	4.63189	4.42919	-0.0645575	0.989954
XLOC_013173	GTDC1	chr2:144703580-145090083	1.47829	1.41361	-0.0645429	0.967866
XLOC_012876	HNRPLL	chr2:38790327-38830178	7.94416	7.59694	-0.064477	0.951854
XLOC_006490	C14orf159	chr14:91580356-91691703	6.56461	6.27798	-0.0644099	0.954501
XLOC_023279	SYAP1	chrX:16737706-16780807	24.1087	23.0576	-0.064313	0.947795
XLOC_015654	ANO10	chr3:43407817-43663560	7.59693	7.26618	-0.0642187	0.954501
XLOC_020551	GTF2IRD1	chr7:73868119-74016920	19.8306	18.9684	-0.0641252	0.949188
XLOC_008018	CCDC101	chr16:28565248-28603111	12.4382	11.8979	-0.0640764	0.960529
XLOC_002708	TRUB1	chr10:116697951-116737439	4.25591	4.07109	-0.0640517	0.954397
XLOC_015706	QARS	chr3:49133364-49142562	93.2401	89.1978	-0.063943	0.948368
XLOC_007265	C15orf61	chr15:67493012-67819641	12.911	12.3516	-0.0639076	0.978031
XLOC_021121	PMS2P3	chr7:75137068-75157453	0.971524	0.929431	-0.0639027	0.976866
XLOC_011082	ZNF480	chr19:52800425-52829174	1.50899	1.44368	-0.0638379	0.96024
XLOC_009005	GGNBP2	chr17:34900736-34946276	13.7577	13.1633	-0.0637148	0.950538
XLOC_023268	TCEANC	chrX:13671306-13682247	0.320679	0.306827	-0.0637059	1
XLOC_011382	CD320	chr19:8367010-8373240	273.612	261.798	-0.0636759	0.947567
XLOC_016036	IFT80	chr3:159974773-160117320	2.14893	2.05617	-0.0636617	0.958899
XLOC_007157	CHP1	chr15:41523436-41574083	47.8854	45.8192	-0.0636353	0.948444
XLOC_013799	PCMTD2	chr20:62887047-62907579	5.42941	5.19554	-0.0635232	0.952184
XLOC_014341	PRDM15	chr21:43218384-43299591	0.637283	0.609884	-0.0634002	0.968157
XLOC_016878	PPA2	chr4:106290233-106395227	42.3577	40.5386	-0.0633276	0.945857
XLOC_009915	POLG2	chr17:62473901-62493184	5.66057	5.41765	-0.0632795	0.961218

XLOC_009379	PRPF8	chr17:1553922-1588176	37.2974	35.6979	-0.063239	0.950837
XLOC_014859	CYP2D6	chr22:42522500-42526883	1.3868	1.32749	-0.0630568	0.978016
XLOC_011975	ZNF579	chr19:56088890-56092211	30.8516	29.5329	-0.0630258	0.952429
XLOC_010722	ZNF486	chr19:20278022-20311299	1.65842	1.58755	-0.0630097	0.963969
XLOC_015624	GLB1,TMPPE	chr3:33038099-33138694	28.1321	26.9306	-0.0629713	0.950862
XLOC_006193	DOCK9	chr13:99445740-99738660	0.918711	0.879502	-0.0629247	0.965831
XLOC_022250	ZNF251	chr8:145946293-145980970	7.71015	7.38154	-0.0628381	0.951854
XLOC_011663	PAF1	chr19:39876269-39881835	14.1577	13.5546	-0.0628046	0.951036
XLOC_004157	PHF21A	chr11:45950869-46142985	3.13219	2.99878	-0.0627934	0.952954
XLOC_003838	RNF214	chr11:117103403-117186972	3.50183	3.35271	-0.0627844	0.975484
XLOC_011834	SLC6A16	chr19:49792891-49828474	0.167325	0.160208	-0.0627153	1
XLOC_004412	ARRB1	chr11:74971165-75062875	5.11795	4.90029	-0.0626987	0.951272
XLOC_012410	RALB	chr2:121010413-121052286	19.565	18.7348	-0.0625517	0.950176
XLOC_002934	AGAP8	chr10:51026324-51371331	0.734944	0.70376	-0.0625499	0.990368
XLOC_005195	ULK1	chr12:132379278-132407707	6.68338	6.40004	-0.0624968	0.956177
XLOC_011909	ZNF649	chr19:52392487-52408305	0.137155	0.131348	-0.0624196	1
XLOC_015315	ABTB1	chr3:127391780-127399769	17.7061	16.957	-0.0623648	0.954729
XLOC_017440	MRPL22	chr5:154320632-154348971	12.3799	11.8568	-0.0622889	0.949638
XLOC_012934	CCT4	chr2:62095261-62115806	106.232	101.745	-0.0622519	0.949913
XLOC_022610	NCS1	chr9:132934856-13299583	48.4863	46.4436	-0.0620959	0.947962
XLOC_009182	PCTP	chr17:53828339-53854748	8.82185	8.4504	-0.0620613	0.95781
XLOC_005171	DDX55	chr12:124086671-124105482	9.59936	9.19523	-0.0620536	0.953159
XLOC_017082	FAM105A	chr5:14581890-14616287	0.845876	0.810362	-0.0618802	0.963969
XLOC_017899	DCTN4	chr5:150088308-150138657	12.2779	11.763	-0.0618072	0.951891
XLOC_017599	MTMR12	chr5:32227110-32313114	3.81568	3.65574	-0.0617755	0.953159
XLOC_003795	AASDHPPT	chr11:105921824-105969419	13.6096	13.0394	-0.0617553	0.952772
XLOC_008360	BRICD5	chr16:2255177-2261069	4.69698	4.50039	-0.0616832	0.994068
XLOC_020617	ACN9	chr7:96745904-96811075	11.8803	11.3832	-0.0616714	0.954501
XLOC_008583	AMFR	chr16:56395363-56459450	32.2813	30.9322	-0.061589	0.950064
XLOC_022134	LRP12	chr8:105501458-105601252	3.24749	3.11179	-0.0615783	0.958285
XLOC_023001	PTPN3	chr9:112137973-112260593	5.66176	5.42542	-0.0615145	0.952637
XLOC_020840	ZNF783	chr7:148959261-148982085	2.14157	2.0522	-0.0614976	0.964843
XLOC_023253	SHROOM2	chrX:9754495-9917481	0.507576	0.486398	-0.0614892	0.972758
XLOC_017928	RNF145	chr5:158584416-158637061	30.0415	28.7885	-0.0614643	0.950563
XLOC_021672	SLC26A7	chr8:92261515-92410378	0.017034	0.0163248	-0.0613564	1
XLOC_021282	AASS	chr7:121713597-121784344	5.2733	5.05378	-0.061341	0.952221
XLOC_003387	PRRG4	chr11:32851480-32879669	2.38073	2.2817	-0.0612959	0.960529
XLOC_022704	WASH1	chr9:11986-29739	5.8634	5.61956	-0.0612823	0.964628
XLOC_011079	PPP2R1A	chr19:52693054-52729678	199.532	191.255	-0.0611198	0.952184
XLOC_014147	IFNAR1	chr21:34697213-34732128	5.51587	5.28723	-0.0610749	0.953159
XLOC_006744	SDR39U1	chr14:24899140-24912007	48.35	46.3476	-0.0610222	0.975492
XLOC_012188	PRORS1P	chr2:55509454-55511607	0.482762	0.462777	-0.0609954	0.978818
XLOC_007543	ZSCAN29	chr15:43650369-43662258	3.29896	3.16252	-0.0609365	0.955124
XLOC_008676	FA2H	chr16:74746855-74808729	2.42209	2.32193	-0.0609304	0.971173
XLOC_017847	SPATA24	chr5:138732455-138739776	1.8705	1.79317	-0.0609081	0.97822
XLOC_006982	CDC42BPB	chr14:103398715-103523742	9.80066	9.39584	-0.0608568	0.952184
XLOC_006214	EFNB2	chr13:107142078-107187388	1.17364	1.12517	-0.0608504	0.967354
XLOC_012765	TMEM18	chr2:667972-677439	17.9291	17.1903	-0.0607064	0.952184
XLOC_017495	SFXN1	chr5:174905513-174955621	13.4654	12.9106	-0.0606958	0.952294

XLOC_011050	NR1H2	chr19:50879679-50886285	34.4593	33.0414	-0.0606191	0.952184
XLOC_005330	HIST4H4	chr12:14923653-14924065	0.811916	0.778593	-0.0604602	0.983529
XLOC_020983	HOXA11	chr7:27220775-27224835	5.40452	5.18293	-0.0603964	0.960032
XLOC_008559	NETO2	chr16:47115430-47177936	12.3086	11.8039	-0.0603963	0.952184
XLOC_006860	ATP6V1D	chr14:67804580-67826720	28.2659	27.1092	-0.0602784	0.952184
XLOC_023058	PDCL	chr9:125580375-125590935	4.49897	4.31566	-0.0600131	0.960488
XLOC_012804	TTC32	chr2:20096513-20101744	3.69669	3.54618	-0.0599691	0.974787
XLOC_020351	RNF216P1	chr7:5013615-5037800	10.5801	10.1497	-0.0599237	0.95794
XLOC_015431	PPM1L	chr3:160473995-160788817	0.377215	0.361871	-0.0599104	0.978269
XLOC_011532	KIAA1683	chr19:18367905-18385319	0.0189037	0.0181352	-0.0598708	1
XLOC_012479	PKP4	chr2:159313475-159537940	8.37568	8.0353	-0.0598549	0.952221
XLOC_018325	HSP90AB1	chr6:44213902-44221625	848.56	814.082	-0.0598422	0.956884
XLOC_008615	B3GNT9	chr16:67143914-67184902	8.96399	8.59988	-0.0598252	0.969077
XLOC_004616	RPUSD4	chr11:126071988-126081587	22.3533	21.4455	-0.0598117	0.952184
XLOC_015203	NSUN3	chr3:93776765-93845630	1.42837	1.37038	-0.0597985	0.983334
XLOC_012044	TAF1B	chr2:9983570-10074545	4.2032	4.03267	-0.0597516	0.960032
XLOC_009827	TTLL6	chr17:46839592-46894469	0.053387	0.0512214	-0.0597427	1
XLOC_016961	PET112	chr4:152591808-152682175	13.9103	13.3465	-0.0596875	0.954143
XLOC_010263	ADNP2	chr18:77866914-77898228	10.008	9.60242	-0.05968	0.952233
XLOC_000223	PPP1R8	chr1:28157251-28178183	20.9136	20.0665	-0.0596551	0.952184
XLOC_001264	EXOSC10	chr1:11126675-11159938	21.1846	20.3265	-0.0596527	0.952184
XLOC_013426	NGEF	chr2:233743395-233877951	12.5486	12.0404	-0.0596395	0.955413
XLOC_016804	NUP54	chr4:77035816-77069655	12.6255	12.1143	-0.0596235	0.953159
XLOC_013625	CEP250	chr20:34043222-34099803	9.88662	9.48681	-0.0595544	0.953159
XLOC_015576	TAMM41	chr3:11831918-11888352	7.7631	7.44938	-0.0595112	0.96385
XLOC_004848	LETMD1	chr12:51442081-51454207	44.0267	42.2517	-0.0593683	0.952184
XLOC_008820	SLC35G6	chr17:7362684-7387568	0.0506952	0.0486551	-0.0592603	1
XLOC_010110	RAB12	chr18:8609442-8639380	11.4549	10.9941	-0.0592374	0.956622
XLOC_001688	WDR47	chr1:109512837-109584850	1.67694	1.60955	-0.059176	0.965296
XLOC_014665	BID	chr22:18216905-18257431	31.3794	30.1197	-0.0591096	0.952233
XLOC_004659	CCND2	chr12:4382901-4414522	23.3427	22.4067	-0.0590431	0.952355
XLOC_007011	CYFIP1	chr15:22892683-23003603	45.958	44.1186	-0.0589291	0.951036
XLOC_002233	NUP133	chr1:229577043-229644088	9.66049	9.27386	-0.058926	0.952795
XLOC_007152	ZFYVE19	chr15:41060066-41106767	21.0522	20.2118	-0.0587788	0.964843
XLOC_018398	NT5E	chr6:86159301-86205509	0.751443	0.721458	-0.0587483	0.97394
XLOC_005741	SRSF9	chr12:120884240-120907558	287.005	275.557	-0.0587258	0.957728
XLOC_007503	RASGRP1	chr15:38780301-38857007	0.750818	0.720879	-0.058706	0.970185
XLOC_001039	NENF	chr1:212606228-212619721	133.558	128.233	-0.0587034	0.952184
XLOC_008433	RRN3	chr16:15153878-15188158	13.7807	13.2312	-0.0586973	0.953732
XLOC_001767	NUDT17	chr1:145575987-145589435	1.62018	1.55563	-0.0586523	0.992304
XLOC_022590	GLE1	chr9:131266970-131304580	33.9327	32.5828	-0.0585638	0.952184
XLOC_014067	LOC100127888	chr20:61273796-61303647	1.05672	1.01468	-0.0585618	0.991446
XLOC_006793	RPL36AL	chr14:50085406-50087349	576.488	553.575	-0.0585131	0.952319
XLOC_010483	FZR1	chr19:3506294-3536755	23.5482	22.6129	-0.0584723	0.952978
XLOC_008808	SLC2A4	chr17:7185053-7191367	0.684549	0.657365	-0.0584597	0.977897
XLOC_007599	RFX7	chr15:56382730-56535483	1.94078	1.86371	-0.0584553	0.95935
XLOC_001986	RGS5	chr1:163112088-163291581	0.383879	0.368651	-0.0583939	0.981602
XLOC_005049	ACTR6	chr12:100593864-100618202	12.7405	12.236	-0.0582843	0.955641
XLOC_000172	KDM1A	chr1:23345940-23410184	52.8777	50.7848	-0.0582629	0.952184

XLOC_020666	AP1S1	chr7:100797685-100804557	166.814	160.217	-0.0582164	0.954501
XLOC_016873	SLC9B2	chr4:103946651-103998170	7.58348	7.28364	-0.0582019	0.954535
XLOC_018423	TSTD3	chr6:99968869-99981059	0.915329	0.879142	-0.0581937	0.976602
XLOC_002791	PITRM1	chr10:3179918-3215033	22.9659	22.0585	-0.0581608	0.954535
XLOC_017191	HEXB	chr5:73980968-74072737	66.7815	64.1435	-0.0581448	0.977897
XLOC_004113	LOC100126784	chr11:19372270-20143147	3.91264	3.75809	-0.0581425	0.983243
XLOC_011506	CYP4F2	chr19:15988833-16008884	0.0154493	0.0148392	-0.0581294	1
XLOC_009520	CENPV	chr17:16245847-16256812	65.6956	63.1012	-0.058129	0.952978
XLOC_004839	SMARCD1	chr12:50478982-50494494	23.316	22.3962	-0.0580653	0.954397
XLOC_021601	UBXN2B	chr8:59323822-59364060	5.56006	5.34084	-0.0580335	0.955832
XLOC_011581	C19orf12	chr19:30189792-30206696	4.76959	4.58177	-0.0579605	0.959917
XLOC_015361	ARMC8	chr3:137906114-138048728	3.85093	3.69969	-0.0578003	0.962184
XLOC_011537	ELL	chr19:18553472-18632937	10.9036	10.4754	-0.0577919	0.957728
XLOC_015322	ACAD9	chr3:128598332-128631957	13.4546	12.9264	-0.0577692	0.955785
XLOC_005804	IL17D	chr13:21277481-21297237	2.47891	2.38174	-0.0576878	0.975484
XLOC_002973	PPA1	chr10:71962585-71993190	198.804	191.012	-0.0576801	0.954993
XLOC_008056	SRCAP	chr16:30710461-30751450	5.46638	5.25217	-0.0576721	0.954535
XLOC_009417	PELP1	chr17:4574678-4607632	20.2092	19.4173	-0.0576699	0.952625
XLOC_010417	PQLC1	chr18:77662419-77711653	40.2106	38.6356	-0.0576458	0.954501
XLOC_008367	ERVK13-1	chr16:2708389-2723440	1.042	1.0012	-0.0576309	0.96513
XLOC_017488	BNIP1	chr5:172571444-172591390	14.9451	14.3616	-0.0574483	0.960217
XLOC_014763	RNF215	chr22:30774802-30783302	18.3651	17.6498	-0.0573145	0.960032
XLOC_008255	HSBP1	chr16:83841507-83846607	55.1318	52.9868	-0.0572509	0.953159
XLOC_001658	BCAR3	chr1:94027342-94312706	5.85624	5.62852	-0.0572203	0.961218
XLOC_004662	DYRK4	chr12:4699243-4723041	12.2062	11.732	-0.0571704	0.960032
XLOC_019092	SLC2A12	chr6:134308718-134373789	0.528537	0.508008	-0.0571557	0.974348
XLOC_016448	NFKB1	chr4:103422485-103538459	7.15152	6.87375	-0.0571523	0.957719
XLOC_001722	PHTF1	chr1:114239823-114301777	2.0574	1.97751	-0.057141	0.96645
XLOC_021257	COG5	chr7:106809405-107218968	12.4208	11.9386	-0.0571312	0.964628
XLOC_002276	LOC731275	chr1:243219615-243265046	0.401591	0.386007	-0.0570994	0.978818
XLOC_022116	COX6C	chr8:100890222-100906242	339.38	326.244	-0.0569484	0.95448
XLOC_006929	NRDE2	chr14:90744397-90798481	1.95796	1.88219	-0.0569448	0.967296
XLOC_016797	G3BP2	chr4:76567952-76598667	15.7489	15.1396	-0.056927	0.954373
XLOC_021130	POMZP3	chr7:76178657-76257299	8.42572	8.09979	-0.056915	0.97664
XLOC_019010	CCNC	chr6:99990262-100016690	22.9501	22.064	-0.056808	0.953219
XLOC_014653	RPL23AP82	chr22:51195513-51238065	5.28849	5.08454	-0.0567382	0.978818
XLOC_015029	SLC25A38	chr3:39424814-39438819	45.9548	44.1828	-0.0567329	0.953159
XLOC_015925	KLF15	chr3:126061477-126076236	4.62876	4.4504	-0.05669	0.967226
XLOC_024048	C1GALT1C1	chrX:119759528-119764005	8.81173	8.4722	-0.0566898	0.963155
XLOC_002859	ACBD5	chr10:27484142-27531068	6.04285	5.81023	-0.0566332	0.959846
XLOC_022460	HABP4	chr9:99212413-99253618	15.3665	14.7749	-0.0566327	0.95781
XLOC_006970	CCDC85C	chr14:99947738-100070727	17.7261	17.0445	-0.0565661	0.967226
XLOC_013295	SF3B1	chr2:198256697-198299771	32.5912	31.3381	-0.0565627	0.952355
XLOC_003072	FRAT2	chr10:99092253-99094458	14.8519	14.2809	-0.0565541	0.960032
XLOC_022511	SLC31A2	chr9:115913237-115926422	8.44351	8.1191	-0.0565234	0.964356
XLOC_011410	ANGPTL6	chr19:10196805-10213425	3.40522	3.27459	-0.0564323	0.983243
XLOC_023991	TCEAL8	chrX:102507922-102510121	44.7286	43.0163	-0.0563137	0.955041
XLOC_006044	USP12	chr13:27640286-27746033	6.76046	6.50211	-0.056214	0.957014
XLOC_020883	NOM1	chr7:156742416-156765876	7.84298	7.54411	-0.0560518	0.956644

XLOC_012944	RAB1A	chr2:65283494-65357435	42.1759	40.571	-0.0559677	0.958864
XLOC_021044	PURB	chr7:44915891-44924960	3.96651	3.81566	-0.055937	0.957719
XLOC_018418	UFL1	chr6:96969701-97003151	4.36871	4.20266	-0.055904	0.959358
XLOC_001257	CTNNBIP1	chr1:9908333-9970316	7.32068	7.04292	-0.0558029	0.961683
XLOC_003032	ATAD1	chr10:89512874-89577917	10.4558	10.0608	-0.0555559	0.95781
XLOC_015890	COX17	chr3:119388371-119396243	89.1091	85.7443	-0.0555315	0.961132
XLOC_018307	KLC4	chr6:43027371-43042833	5.01417	4.82496	-0.0554961	0.965765
XLOC_013050	KANSL3	chr2:97258891-97304116	7.34954	7.07277	-0.0553786	0.95781
XLOC_017487	CREBRF	chr5:172483354-172566291	1.80351	1.73575	-0.05525	0.967343
XLOC_003636	SF3B2	chr11:65819815-65836382	83.2974	80.1677	-0.0552492	0.957728
XLOC_016015	MBNL1-AS1	chr3:151980404-152183569	0.106795	0.102783	-0.055241	1
XLOC_021042	TMED4	chr7:44618761-44621827	36.6865	35.3133	-0.0550359	0.960032
XLOC_009311	TNRC6C	chr17:76000317-76107880	0.434412	0.418181	-0.0549359	0.978031
XLOC_004987	CNOT2	chr12:70636773-70748773	17.5639	16.9079	-0.0549163	0.955964
XLOC_001635	ODF2L	chr1:86812506-86862025	3.06473	2.95035	-0.054873	0.962865
XLOC_002338	ATP5C1	chr10:7830092-7849762	232.721	224.047	-0.0548043	0.956177
XLOC_009425	INCA1	chr17:4891424-4900905	0.514658	0.495502	-0.0547222	0.983243
XLOC_007324	HMG20A	chr15:77713242-77777945	6.83466	6.58034	-0.0547072	0.95935
XLOC_014083	STMN3	chr20:62271057-62284963	18.74	18.0428	-0.0546993	0.960148
XLOC_006839	DHRS7	chr14:60611499-60632211	55.5442	53.4784	-0.05468	0.955797
XLOC_010330	ZNF24	chr18:32912177-32924426	5.53445	5.32938	-0.0544718	0.95781
XLOC_023981	ARMCX6	chrX:100870107-100872991	32.6236	31.4166	-0.0543905	0.961236
XLOC_020374	PHF14	chr7:11013498-11209250	4.1931	4.038	-0.0543764	0.964843
XLOC_011647	CAPN12	chr19:39138266-39235114	14.9391	14.3874	-0.0542794	0.984084
XLOC_006504	OTUB2	chr14:94492723-94515276	1.05163	1.0128	-0.0542763	0.974108
XLOC_002150	SLC41A1	chr1:205758220-205782161	12.1481	11.7007	-0.0541437	0.957728
XLOC_020368	C1GALT1	chr7:7222245-7288280	3.41682	3.29101	-0.0541241	0.960032
XLOC_006408	MPP5	chr14:67708011-67802778	4.57557	4.4071	-0.0541202	0.958829
XLOC_011334	TICAM1	chr19:4815935-4831754	14.6676	14.1277	-0.0541061	0.960529
XLOC_016195	MSX1	chr4:4861391-4865660	20.5356	19.7808	-0.0540254	0.961458
XLOC_012050	ATP6V1C2	chr2:10861774-10952960	0.220345	0.212251	-0.0539925	1
XLOC_012447	CCNT2	chr2:135676391-135716915	2.50592	2.41402	-0.0539	0.961132
XLOC_021805	MFSD3	chr8:145734551-145736589	47.7019	45.9526	-0.0538994	0.961218
XLOC_022065	SNX16	chr8:82711817-82754521	2.68941	2.59079	-0.0538973	0.967296
XLOC_016327	KIAA1211	chr4:57036360-57196890	2.40714	2.31892	-0.053866	0.963701
XLOC_022315	NFX1	chr9:33290417-33371155	6.5466	6.30681	-0.0538374	0.960032
XLOC_016826	COQ2	chr4:84184976-84206067	14.9881	14.4394	-0.0538124	0.961132
XLOC_004919	RPS26	chr12:56435685-56438007	2265.2	2182.35	-0.0537554	0.96024
XLOC_007973	IQCK	chr16:19717673-19868859	2.71619	2.61693	-0.0537084	0.979995
XLOC_005696	GPN3	chr12:110890290-110928192	22.8444	22.0096	-0.0537043	0.974777
XLOC_003662	RPS6KB2	chr11:67195934-67202879	50.2164	48.3823	-0.0536809	0.957014
XLOC_000088	CLCN6	chr1:11845786-11907840	2.49673	2.40565	-0.0536149	0.978818
XLOC_017626	PRKAA1	chr5:40759480-40798297	5.21215	5.02201	-0.0536146	0.960032
XLOC_008851	WDR16	chr17:9479943-9546776	0.109567	0.105574	-0.0535544	1
XLOC_003005	CAMK2G	chr10:75572258-75634349	5.72959	5.52084	-0.0535427	0.964843
XLOC_001632	DDAH1	chr1:85784167-86044046	20.5806	19.833	-0.0533837	0.957014
XLOC_011182	EPS8L1	chr19:55587220-55599291	8.9381	8.61347	-0.0533723	0.968157
XLOC_012551	ITGAV	chr2:187454789-187545628	2.21771	2.13728	-0.0532967	0.964843
XLOC_001948	C1orf204,VSIG8	chr1:159796478-159832447	0.0299626	0.0288769	-0.0532464	1

XLOC_005888	ITM2B	chr13:48807273-48836232	48.5921	46.8343	-0.0531577	0.957728
XLOC_012240	SMYD5	chr2:73441365-73454355	22.1941	21.3913	-0.0531481	0.959358
XLOC_010029	LINC00482	chr17:79276623-79283048	0.0634413	0.0611507	-0.0530547	1
XLOC_023160	LHX3	chr9:139088095-139096955	0.416353	0.40132	-0.0530536	0.983243
XLOC_009450	ASGR1	chr17:7076750-7082883	15.4399	14.8839	-0.0529153	0.964843
XLOC_013427	USP40	chr2:234384164-234474236	3.62018	3.48991	-0.0528696	0.962161
XLOC_022869	PGM5-AS1	chr9:70970108-71145977	0.180866	0.174365	-0.052812	1
XLOC_021596	CHCHD7	chr8:57124314-57131176	19.4162	18.7185	-0.0527974	0.959358
XLOC_007342	ZFAND6	chr15:80351909-80430735	27.3551	26.3743	-0.0526783	0.960032
XLOC_001966	F11R	chr1:160965000-160991133	4.94471	4.76745	-0.0526683	0.962709
XLOC_002488	STOX1	chr10:70587293-70655209	2.64166	2.54699	-0.0526519	0.980706
XLOC_012621	MAP2	chr2:210288770-210598834	0.0771037	0.0743405	-0.0526512	1
XLOC_018603	C6orf120	chr6:170102256-170124106	6.1945	5.97315	-0.0524953	0.9771
XLOC_015762	GLT8D1	chr3:52719935-52742197	15.1848	14.6429	-0.0524274	0.99107
XLOC_004880	HOXC10	chr12:54378945-54384062	7.05286	6.80166	-0.0523222	0.968512
XLOC_009316	BIRC5	chr17:76210276-76221716	38.251	36.8897	-0.0522785	0.961132
XLOC_006417	SLC39A9	chr14:69865095-69929107	12.8004	12.3449	-0.0522759	0.967866
XLOC_016556	ETFDH	chr4:159593276-159629841	2.92681	2.82276	-0.052222	0.971528
XLOC_023180	FBXW5	chr9:139834884-139839206	141.872	136.83	-0.0522018	0.958829
XLOC_001649	ZNF644	chr1:91380856-91487812	6.84613	6.60303	-0.0521615	0.96645
XLOC_001852	S100A6	chr1:153507075-153508717	2494.96	2406.39	-0.0521455	0.961132
XLOC_010094	NDC80	chr18:2571509-2616634	9.77917	9.43282	-0.0520238	0.963155
XLOC_015897	POLQ	chr3:121150272-121264853	0.613061	0.591366	-0.0519789	0.970185
XLOC_005861	NHLRC3	chr13:39612447-39624244	2.92529	2.82188	-0.0519253	0.967343
XLOC_015024	ACVR2B	chr3:38492517-38534633	1.26469	1.22011	-0.0517682	0.967343
XLOC_001102	ARV1	chr1:231114822-231136479	6.64304	6.40895	-0.0517548	0.968733
XLOC_005537	ZBTB39	chr12:57392616-57400297	1.70035	1.64044	-0.0517485	0.967458
XLOC_015448	ECT2	chr3:172468474-172539264	9.89633	9.54774	-0.0517335	0.961459
XLOC_004208	TNKS1BP1	chr11:57067102-57092413	11.4328	11.0307	-0.0516467	0.961459
XLOC_009156	KAT7	chr17:47865980-47906458	9.0867	8.76782	-0.051538	0.961459
XLOC_010697	PGPEP1	chr19:18451407-18480763	7.14234	6.89173	-0.0515297	0.961459
XLOC_009944	FAM104A	chr17:71189172-71228533	13.4254	12.9544	-0.0515175	0.969439
XLOC_022480	MURC	chr9:103340335-103350173	0.17332	0.167254	-0.051395	1
XLOC_010147	RIOK3	chr18:21032786-21063099	10.5796	10.2105	-0.0512298	0.961132
XLOC_014945	TATDN2	chr3:10290176-10335133	7.67409	7.40639	-0.0512257	0.962687
XLOC_012583	NIF3L1	chr2:201754049-201768655	18.7869	18.1326	-0.0511366	0.963969
XLOC_010243	SOCS6	chr18:67956136-67997434	2.19704	2.12053	-0.0511305	0.967296
XLOC_004779	MED21	chr12:27175454-27183606	5.27695	5.09325	-0.0511182	0.967226
XLOC_016338	LOC550112	chr4:68566995-68588222	6.25225	6.03469	-0.0510973	0.967296
XLOC_004419	PRKRIR	chr11:76061003-76091880	11.3703	10.9749	-0.0510662	0.961218
XLOC_020734	METTL2B	chr7:128116782-128142978	6.43127	6.20773	-0.0510378	0.96692
XLOC_018411	CASP8AP2	chr6:90539618-90584155	0.501115	0.483715	-0.050983	0.975492
XLOC_008821	POLR2A	chr17:7387697-7417935	11.2323	10.8425	-0.0509535	0.959927
XLOC_018962	COX7A2	chr6:75947390-75953644	266.127	256.904	-0.0508827	0.960125
XLOC_005419	CCNT1	chr12:49082240-49110781	4.09055	3.94909	-0.0507742	0.964476
XLOC_016184	GRK4	chr4:2965342-3042474	0.557106	0.537843	-0.050768	0.981735
XLOC_002080	TPR	chr1:185703682-186446655	4.98936	4.81704	-0.0507063	0.975484
XLOC_000621	WDR3	chr1:118472371-118727848	12.397	11.9695	-0.0506304	0.960529
XLOC_003104	FBXW4	chr10:103370420-103454743	23.6925	22.8759	-0.0505984	0.963969

XLOC_002265	HEATR1	chr1:236681513-236767841	6.09664	5.88684	-0.0505205	0.973099
XLOC_000773	BGLAP,PMF1,PM	chr1:156182778-156217908	43.4704	41.9779	-0.0504037	0.964843
XLOC_021290	NDUFA5	chr7:123181082-123197958	32.9565	31.8265	-0.0503362	0.961132
XLOC_023622	FAM122C	chrX:133903595-133988641	0.669212	0.646282	-0.0502995	0.992882
XLOC_008186	EDC4	chr16:67906925-67918417	14.9392	14.4275	-0.0502861	0.962754
XLOC_008644	TERF2	chr16:69389463-69419891	11.1742	10.7918	-0.0502361	0.963969
XLOC_020554	PMS2P5	chr7:74306893-74336166	3.18957	3.08047	-0.0502095	0.975928
XLOC_020639	COPS6	chr7:99686582-99689822	162.38	156.834	-0.0501312	0.960345
XLOC_010545	LRRCE	chr19:7953389-7966908	16.0916	15.5422	-0.0501246	0.963969
XLOC_002099	KIF14	chr1:200520624-200589862	1.25183	1.20912	-0.0500919	0.967343
XLOC_021929	CCDC25	chr8:27590832-27630170	12.2359	11.8186	-0.0500639	0.961447
XLOC_006031	SACS	chr13:23902964-24007841	0.794879	0.767828	-0.0499521	0.967226
XLOC_018587	SLC22A1	chr6:160542862-160579750	0.0725282	0.0700618	-0.0499131	1
XLOC_011793	MEIS3	chr19:47906374-47922785	59.4463	57.4272	-0.0498518	0.961412
XLOC_011538	FKBP8	chr19:18642567-18654383	275.489	266.138	-0.0498159	0.963969
XLOC_012227	PCBP1	chr2:70314584-70316334	195.309	188.682	-0.0498033	0.960798
XLOC_022547	RABGAP1	chr9:125703287-125867147	4.56957	4.41453	-0.0497996	0.965296
XLOC_005346	LDHB	chr12:21788274-21810789	845.927	817.287	-0.0496907	0.964843
XLOC_002539	BEND3P3	chr10:81442730-81448650	0.0193217	0.0186678	-0.0496724	1
XLOC_023463	NONO	chrX:70430034-70948962	163.033	157.52	-0.0496314	0.969535
XLOC_006843	TRMT5	chr14:61438166-61447782	4.83856	4.67511	-0.0495786	0.963969
XLOC_011252	TRIM28	chr19:59055835-59062082	187.601	181.277	-0.0494701	0.964628
XLOC_010455	RPS15	chr19:1438362-1440492	5135.49	4962.9	-0.0493201	0.964843
XLOC_015484	FAM131A	chr3:184053716-184079439	17.6121	17.0202	-0.0493159	0.97267
XLOC_004879	HOXC11	chr12:54356091-54370203	6.18329	5.9764	-0.0490982	0.975492
XLOC_014304	TMEM50B	chr21:34775201-34852316	7.76688	7.50701	-0.0490979	0.983243
XLOC_001701	SLC16A4	chr1:110905472-110933704	0.0791461	0.0765087	-0.0488938	1
XLOC_015735	ZMYND10	chr3:50378536-50383156	0.769401	0.743778	-0.0488643	0.98206
XLOC_014821	CSNK1E	chr22:38686696-38714089	70.9917	68.6295	-0.0488212	0.961459
XLOC_009894	INTS2	chr17:59942727-60005377	1.8334	1.77253	-0.0487152	0.968157
XLOC_003865	CBL	chr11:119076985-119178859	3.18068	3.07525	-0.0486313	0.964843
XLOC_002775	ZNF511	chr10:135092133-135126666	32.1321	31.0677	-0.0485989	0.98225
XLOC_009455	GABARAP	chr17:7143737-7145753	353.996	342.27	-0.0485986	0.964487
XLOC_014241	NRIP1	chr21:16333555-16437126	0.520049	0.502831	-0.0485727	0.975928
XLOC_014722	DDT	chr22:24309025-24322019	262.957	254.256	-0.0485467	0.964639
XLOC_014832	CBX7	chr22:39526778-39548538	10.7049	10.3509	-0.0485181	0.965831
XLOC_000458	FPGT,FPGT-TNN	chr1:74663895-75010116	1.51374	1.46371	-0.0484886	0.971663
XLOC_022175	FAM49B	chr8:130851838-131028897	21.798	21.0776	-0.048486	0.962755
XLOC_017771	TRIM36	chr5:114460458-114516243	2.23511	2.16133	-0.0484255	0.969933
XLOC_004358	PITPNM1	chr11:67259238-67272843	15.565	15.0516	-0.0483946	0.964843
XLOC_006708	RBM23	chr14:23369853-23388396	24.9916	24.1674	-0.0483849	0.963969
XLOC_018313	ABCC10	chr6:43395291-43423786	2.26439	2.18992	-0.0482422	0.972453
XLOC_006390	SNAPC1	chr14:62229074-62263146	5.94649	5.75099	-0.0482273	0.967343
XLOC_001893	ASH1L	chr1:155305051-155533735	0.995476	0.96275	-0.0482257	0.982632
XLOC_001553	C1orf123	chr1:53662100-53686289	28.5597	27.6214	-0.0481952	0.975484
XLOC_013615	ITCH	chr20:32951040-33099198	4.39687	4.25241	-0.048195	0.964843
XLOC_006972	SLC25A29	chr14:100757452-100772860	42.3951	41.0052	-0.0480906	0.963969
XLOC_009857	C17orf67	chr17:54869273-54911256	1.29914	1.25656	-0.048072	0.978818
XLOC_017642	PAIP1	chr5:43526369-43557521	35.4148	34.2547	-0.0480521	0.96385

XLOC_003425	DKFZp779M0652	chr11:45792982-45793909	1.14668	1.10922	-0.0479202	0.992563
XLOC_021794	FAM203A	chr8:145192671-145195620	1.89294	1.83113	-0.0478932	0.978818
XLOC_012080	RAB10	chr2:26256728-26360323	27.157	26.2713	-0.0478338	0.964442
XLOC_012283	PTCD3	chr2:86333304-86369280	11.0721	10.7112	-0.0478006	0.964628
XLOC_014938	IL17RC	chr3:9958757-9975305	15.8065	15.2922	-0.0477262	0.967343
XLOC_011438	ECSIT_ZNF653	chr19:11594241-11639987	41.4163	40.0702	-0.0476695	0.967343
XLOC_014261	CCT8	chr21:30428647-30446010	185.217	179.208	-0.047579	0.964628
XLOC_016693	GPR125	chr4:22388996-22517677	5.13285	4.96648	-0.0475359	0.967296
XLOC_000210	ARID1A	chr1:27022521-27108601	4.19902	4.06305	-0.0474876	0.966307
XLOC_005829	POLR1D	chr13:28194879-28241559	237.674	229.985	-0.047443	0.967226
XLOC_017056	CEP72	chr5:612404-653666	8.22079	7.95501	-0.047414	0.968157
XLOC_015647	SEC22C	chr3:42589458-42690233	8.09114	7.82964	-0.0473971	0.983165
XLOC_013813	NSFL1C	chr20:1422806-1448337	20.2605	19.607	-0.0473051	0.963259
XLOC_004863	TENC1	chr12:53436972-53473204	0.735794	0.712063	-0.047296	0.994593
XLOC_006465	TMEM63C	chr14:77648101-77725838	1.32702	1.28425	-0.0472642	0.975484
XLOC_016889	CASP6	chr4:110609784-110624629	10.5527	10.2128	-0.0472316	0.970533
XLOC_022823	MSMP	chr9:35749276-35754274	1.82208	1.76346	-0.0471825	0.989371
XLOC_013980	ADA	chr20:43248162-43280376	21.8912	21.1869	-0.047175	0.965501
XLOC_016924	CETN4P	chr4:123651343-123653613	0.177392	0.171686	-0.0471634	1
XLOC_005361	ITPR2	chr12:26488284-26986131	0.363885	0.352187	-0.0471387	1
XLOC_017960	THOC3	chr5:175386533-175395545	17.8443	17.2732	-0.0469329	0.967343
XLOC_004179	FNBP4	chr11:47738068-47788993	8.22511	7.96226	-0.0468563	0.965765
XLOC_000547	LOC100129138	chr1:104615644-104619693	0.0861536	0.0834065	-0.0467527	1
XLOC_010897	MEGF8	chr19:42829760-42882921	1.47384	1.42687	-0.046724	0.970185
XLOC_015123	MANF	chr3:51422691-51426828	74.0102	71.6524	-0.0467083	0.963969
XLOC_018165	PPP1R11	chr6:30034931-30043628	40.109	38.8331	-0.0466384	0.964843
XLOC_004753	DERA	chr12:16064185-16190315	16.9484	16.41	-0.0465792	0.967343
XLOC_014059	TAF4	chr20:60549853-60640866	4.28679	4.15077	-0.0465168	0.968448
XLOC_008973	SUZ12	chr17:30264043-30328057	9.80826	9.49719	-0.0464972	0.964843
XLOC_009801	CDC27	chr17:45195310-45266665	6.98252	6.76135	-0.0464359	0.966307
XLOC_013381	DNPEP	chr2:220238179-220252662	46.1723	44.7107	-0.0464072	0.965196
XLOC_014914	RABL2B	chr22:51195513-51238065	7.15164	6.92544	-0.0463681	0.975454
XLOC_010289	MPPE1	chr18:11689013-11908796	8.47175	8.2043	-0.0462803	0.983738
XLOC_008430	PLA2G10	chr16:14766404-14788526	0.0768122	0.0743991	-0.0460508	1
XLOC_016636	HAUS3, POLN	chr4:2073644-2243860	1.79241	1.73618	-0.0459853	0.971768
XLOC_012481	TANC1	chr2:159825145-160089170	1.80361	1.74715	-0.045882	0.970185
XLOC_014548	TRIOBP	chr22:38092994-38172563	10.2145	9.8951	-0.0458275	0.975465
XLOC_012441	CCDC74A	chr2:132202795-132360468	12.9012	12.4986	-0.0457436	0.993157
XLOC_012576	C2orf69	chr2:200775978-200792996	3.90681	3.78511	-0.0456568	0.970185
XLOC_002591	TNKS2	chr10:93558150-93625232	3.49827	3.38933	-0.0456427	0.967343
XLOC_014954	MKRN2	chr3:12598512-12705700	10.5738	10.2449	-0.0455875	0.981441
XLOC_001443	C1orf216	chr1:36179476-36184790	8.2197	7.96423	-0.0455506	0.968512
XLOC_004041	GVINP1	chr11:6734380-6743110	0.00798912	0.00774115	-0.0454893	1
XLOC_022577	FPGS	chr9:130565153-130576556	128.679	124.687	-0.0454644	0.96715
XLOC_021483	PDGFRL	chr8:17433941-17500642	4.50644	4.36716	-0.0452925	0.975484
XLOC_012829	HADHA	chr2:26413503-26467594	93.2387	90.3589	-0.045261	0.967296
XLOC_008286	CTU2	chr16:88772890-88851372	18.5746	18.0012	-0.0452378	0.986998
XLOC_011097	ZNF525	chr19:53868967-53889841	0.989938	0.959396	-0.0452125	0.975492
XLOC_017343	KDM3B	chr5:137688284-137772716	7.30204	7.07688	-0.0451851	0.967296

XLOC_009277	SLC16A5	chr17:73083821-73102255	6.31348	6.11899	-0.0451431	0.97562
XLOC_009439	MED31	chr17:6481644-6554954	8.28573	8.03052	-0.0451361	0.987173
XLOC_002830	FAM171A1	chr10:15253643-15413058	15.0349	14.5726	-0.0450618	0.967343
XLOC_004506	MSANTD4	chr11:105878628-105892954	3.84924	3.73108	-0.0449797	0.969767
XLOC_007786	FAM174B	chr15:93160678-93199031	8.28672	8.0327	-0.0449169	0.970185
XLOC_009666	MIEN1	chr17:37885408-37886788	91.3259	88.5298	-0.0448611	0.967343
XLOC_023073	PPP6C	chr9:127908851-127952218	16.7621	16.2493	-0.0448276	0.965501
XLOC_001602	LRRC40	chr1:70610484-70671361	4.02284	3.89998	-0.044748	0.971528
XLOC_012558	ASNSD1	chr2:190526124-190535557	17.9836	17.4355	-0.0446504	0.967226
XLOC_007800	CHSY1	chr15:101715927-101792137	3.71431	3.60121	-0.0446117	0.971057
XLOC_020917	ACTB	chr7:5566778-5570232	1764.21	1710.49	-0.0446098	0.96875
XLOC_001888	FAM189B	chr1:155216995-155225274	61.8945	60.0117	-0.0445674	0.966749
XLOC_000778	APOA1BP	chr1:156561557-156564091	141.492	137.198	-0.0444588	0.966398
XLOC_008298	DPEP1	chr16:89679715-89704839	0.189666	0.183912	-0.0444439	1
XLOC_017182	PTCD2	chr5:71616199-71655180	2.73152	2.6487	-0.0444198	0.976134
XLOC_012263	MRPL19	chr2:75873908-75889334	7.7522	7.51776	-0.0443033	0.967343
XLOC_003671	LRP5	chr11:68080107-68216743	11.7155	11.3613	-0.0442858	0.967458
XLOC_018884	DNPH1	chr6:43193366-43197211	193.627	187.778	-0.0442539	0.967296
XLOC_021723	MED30	chr8:118532964-118552501	33.2429	32.24	-0.0441919	0.969954
XLOC_013064	TSGA10	chr2:99613723-99771187	0.156957	0.152224	-0.0441718	1
XLOC_005523	STAT2	chr12:56735381-56754037	5.97738	5.79824	-0.0438985	0.968744
XLOC_015019	MYD88	chr3:38179968-38184512	13.4348	13.0324	-0.0438719	0.968448
XLOC_013617	DYNLRB1	chr20:33104203-33128762	169.798	164.722	-0.0437844	0.967343
XLOC_001416	BAI2	chr1:32192717-32229648	3.2014	3.10605	-0.0436206	0.97362
XLOC_011726	ETHE1	chr19:44010870-44031396	138.713	134.585	-0.0435937	0.967343
XLOC_008905	SLC5A10	chr17:18853988-18950336	0.689675	0.669153	-0.0435797	0.994734
XLOC_014556	PICK1	chr22:38453261-38471708	15.9575	15.4842	-0.0434382	0.969482
XLOC_014342	C2CD2	chr21:43305218-43373999	28.0928	27.2603	-0.0433984	0.967343
XLOC_023446	EFNB1	chrX:68048839-68062006	8.3036	8.05755	-0.0433959	0.971768
XLOC_014063	CABLES2	chr20:60963685-60982339	1.5582	1.51206	-0.0433655	0.978818
XLOC_012852	TRMT61B	chr2:29033699-29093175	9.49769	9.2167	-0.0433258	0.970533
XLOC_006522	PAPOLA	chr14:96968712-97033453	23.2808	22.5925	-0.0432943	0.968154
XLOC_016912	MAD2L1	chr4:120980578-120988013	48.2167	46.7952	-0.0431719	0.967458
XLOC_015579	RAF1	chr3:12598512-12705700	18.934	18.376	-0.043159	0.975454
XLOC_013314	ALS2	chr2:202564985-202645895	3.92132	3.80578	-0.0431483	0.975492
XLOC_008209	PDPR	chr16:70147528-70195184	1.8936	1.83781	-0.0431405	0.97394
XLOC_010616	MAST1	chr19:12949258-12985766	5.17365	5.02141	-0.0430894	0.974073
XLOC_023124	SETX	chr9:135136826-135230372	4.18103	4.05808	-0.043062	0.967978
XLOC_014689	DGCR6L	chr22:20301760-20307628	77.3541	75.0854	-0.0429445	0.96935
XLOC_013330	PLEKHM3	chr2:208686011-208890284	0.366752	0.355996	-0.0429414	1
XLOC_014356	CSTB	chr21:45193545-45196256	266.739	258.918	-0.0429336	0.968613
XLOC_023013	SUSD1	chr9:114758831-115112545	5.09931	4.94982	-0.0429235	0.987173
XLOC_009217	METTTL2A	chr17:60501245-60527454	9.87483	9.58542	-0.0429141	0.968591
XLOC_011670	FBL	chr19:40325092-40337054	545.764	529.786	-0.0428679	0.96829
XLOC_005891	FNDC3A	chr13:49550047-49783915	4.82613	4.68486	-0.0428589	0.970185
XLOC_018751	CCHCR1	chr6:31110215-31126015	9.85521	9.56757	-0.0427335	0.972717
XLOC_009575	KIAA0100	chr17:26926150-26972177	15.11	14.6692	-0.0427123	0.967458
XLOC_022471	NANS	chr9:100818958-100881488	118.249	114.801	-0.0426998	0.974573
XLOC_003580	FLRT1	chr11:63766029-63933585	0.117901	0.114463	-0.0426976	1

XLOC_004470	SNORA40	chr11:93468275-93468402	27.4969	26.6958	-0.0426537	0.985956
XLOC_016172	TACC3	chr4:1723216-1746905	37.6955	36.5978	-0.0426356	0.967343
XLOC_015042	TRAK1	chr3:42132745-42267382	3.74041	3.63167	-0.0425623	0.972183
XLOC_012867	STRN	chr2:37064840-37193615	0.942844	0.915459	-0.0425248	0.972183
XLOC_001473	PABPC4	chr1:40026484-40042521	118.357	114.921	-0.0424925	0.9682
XLOC_017543	C5orf55	chr5:441642-443258	3.27937	3.1842	-0.0424885	0.978818
XLOC_003288	TRIM22	chr11:5710816-5732093	0.108512	0.105366	-0.0424535	1
XLOC_008862	ARHGAP44	chr17:12692828-12921381	2.7656	2.68542	-0.0424478	0.993208
XLOC_007783	PRC1	chr15:91509267-91537881	17.5316	17.0237	-0.0424095	0.971173
XLOC_001212	GNB1	chr1:1716724-1822526	100.131	97.2305	-0.0424015	0.968591
XLOC_004295	C11orf95	chr11:63527363-63536113	5.22833	5.07702	-0.0423687	0.971528
XLOC_003928	ACAD8	chr11:134123433-134135746	14.5512	14.1314	-0.0422358	0.970185
XLOC_001074	DNAH14	chr1:225117355-225586996	4.22092	4.09916	-0.0422301	0.980744
XLOC_020606	CCDC132	chr7:92861652-92990435	2.30474	2.23826	-0.0422248	0.971997
XLOC_018397	MRAP2	chr6:84743419-84800605	1.3254	1.2872	-0.0421994	0.981441
XLOC_001562	TMEM59	chr1:54497348-54519111	68.9893	67.0011	-0.0421878	0.968703
XLOC_012842	EIF2B4	chr2:27587218-27593324	29.2472	28.4046	-0.0421761	0.967866
XLOC_009181	HLF	chr17:53342320-53402426	0.0447274	0.0434389	-0.0421716	1
XLOC_012320	COX5B	chr2:98262520-98264657	477.053	463.348	-0.0420542	0.967343
XLOC_001075	SRP9	chr1:225965514-225978168	120.662	117.198	-0.0420228	0.967343
XLOC_010692	MAST3	chr19:18208602-18262499	3.40398	3.30642	-0.0419502	0.974747
XLOC_022615	ABL1	chr9:133589267-133763062	41.1902	40.0107	-0.0419137	0.967343
XLOC_021815	ERICH1	chr8:614199-681226	9.90151	9.61827	-0.0418718	0.972515
XLOC_005055	UTP20	chr12:101673904-101780397	1.64714	1.60019	-0.0417125	0.974538
XLOC_008478	ARHGAP17	chr16:24930711-25026675	9.6445	9.37006	-0.0416491	0.970533
XLOC_002726	SEC23IP	chr10:121652084-121704170	2.8916	2.80939	-0.0416115	0.972131
XLOC_020810	CASP2	chr7:142985307-143004789	11.5626	11.2339	-0.0416087	0.970185
XLOC_002967	SLC25A16	chr10:70242089-70287280	2.62658	2.552	-0.0415589	0.97803
XLOC_010046	SIRT7	chr17:79869814-79876058	21.0394	20.4425	-0.0415232	0.97055
XLOC_024193	UBL4A	chrX:153712055-153714932	25.3825	24.6642	-0.0414161	0.968919
XLOC_006910	TMED8	chr14:77808113-77843396	0.250922	0.243823	-0.0414044	1
XLOC_015560	CAMK1	chr3:9791627-9811668	32.7956	31.8679	-0.041399	0.975928
XLOC_017203	AGGF1	chr5:76326209-76361058	4.18883	4.07037	-0.0413886	0.971314
XLOC_013164	LOC100129961	chr2:135596185-135676176	0.22632	0.219922	-0.0413732	1
XLOC_004425	RSF1	chr11:77377273-77531880	2.07816	2.01945	-0.0413427	0.974573
XLOC_005432	LMBR1L	chr12:49490922-49504680	9.96698	9.68574	-0.0412938	0.973295
XLOC_014513	RNF185	chr22:31556137-31603005	19.7734	19.2162	-0.0412361	0.969964
XLOC_005028	LOC144486	chr12:94853778-94856344	0.144827	0.140751	-0.0411879	1
XLOC_000374	DMBX1	chr1:46972667-46979886	1.41446	1.37481	-0.0410226	0.981335
XLOC_017055	EXOC3	chr5:443333-467409	13.5086	13.1304	-0.0409701	0.971768
XLOC_016573	PALLD	chr4:169418216-169849608	5.44887	5.29631	-0.0409689	0.972473
XLOC_015018	DLEC1	chr3:38080695-38178733	0.00634116	0.00616383	-0.0409199	1
XLOC_019053	ZUFSP	chr6:116956780-116989973	5.46283	5.31046	-0.0408118	0.97516
XLOC_008854	ADPRM	chr17:10600926-10614875	6.87853	6.68702	-0.0407376	0.975484
XLOC_008639	SLC7A6OS	chr16:68298418-68344868	11.8356	11.5062	-0.0407196	0.983243
XLOC_012904	CALM2	chr2:47387220-47403740	272.727	265.147	-0.040667	0.970533
XLOC_023264	TMSB4X	chrX:12993225-12995346	234.201	227.71	-0.0405516	0.970533
XLOC_004446	PICALM	chr11:85668213-85780923	22.6616	22.0338	-0.0405304	0.969699
XLOC_008426	RSL1D1	chr16:11928054-11945442	71.4212	69.4474	-0.0404309	0.970421

XLOC_007775	MESP1	chr15:90293097-90294540	32.5632	31.664	-0.0403992	0.975492
XLOC_016632	SLBP	chr4:1694526-1714030	46.3688	45.0912	-0.0403099	0.970533
XLOC_000147	C1orf151-NBL1,M	chr1:19923470-19984949	98.5148	95.8039	-0.0402562	0.971768
XLOC_000206	DHDDS	chr1:26758772-26797795	6.90578	6.71594	-0.0402157	0.974348
XLOC_016386	USO1	chr4:76649828-76735366	9.64303	9.37803	-0.040202	0.970533
XLOC_018004	MAPK9	chr5:179660594-179719071	10.3252	10.0417	-0.0401759	0.970185
XLOC_007138	EIF2AK4	chr15:40226346-40327797	8.1239	7.90091	-0.0401539	0.970185
XLOC_012674	ACSL3	chr2:223725731-223808119	10.181	9.90212	-0.0400754	0.970681
XLOC_011499	AKAP8	chr19:15464331-15490612	11.1395	10.8344	-0.0400705	0.971324
XLOC_008624	ZDHHC1	chr16:67428321-67450339	4.24634	4.13007	-0.040056	0.980753
XLOC_003205	TUBGCP2	chr10:135092133-135126666	21.8632	21.2654	-0.0399991	0.975492
XLOC_013104	LOC541471	chr2:112124590-112252692	406.53	395.42	-0.0399739	0.968068
XLOC_016501	PLK4	chr4:128802015-128820377	4.2014	4.08675	-0.0399186	0.974593
XLOC_016530	ARHGAP10	chr4:148653452-148993927	4.58847	4.46345	-0.039856	0.975484
XLOC_000370	UQCRH	chr1:46769379-46782447	905.489	880.852	-0.0397979	0.971282
XLOC_014897	BRD1	chr22:50166936-50218452	5.65487	5.50105	-0.0397847	0.97468
XLOC_001348	TCEA3	chr1:23707554-23751261	0.0544047	0.0529271	-0.0397247	1
XLOC_021235	POLR2J3	chr7:102178365-102213068	2.67109	2.59867	-0.0396546	0.981441
XLOC_005486	RARG	chr12:53604349-53626040	10.5503	10.2648	-0.0395904	0.975454
XLOC_002683	GSTO2	chr10:106028630-106059176	38.4456	37.4069	-0.0395138	0.971663
XLOC_018775	NEU1	chr6:31826828-31830709	79.6884	77.5386	-0.0394548	0.970185
XLOC_001605	ZRANB2	chr1:71318035-71546972	14.2781	13.893	-0.039444	0.971919
XLOC_005159	KNTC1	chr12:123011808-123110947	1.70831	1.66228	-0.0394114	0.975484
XLOC_018194	NFKBIL1	chr6:31514627-31526606	38.5968	37.5572	-0.0393925	0.971919
XLOC_009627	RDM1	chr17:34245084-34257780	1.84349	1.79394	-0.0393128	0.983453
XLOC_012102	SNX17	chr2:27593362-27603611	42.8439	41.6928	-0.0392947	0.975492
XLOC_006462	VASH1	chr14:77228234-77249363	2.29673	2.23503	-0.0392891	0.97562
XLOC_005846	BRCA2	chr13:32889616-32973809	0.151083	0.147025	-0.0392799	1
XLOC_007585	MYO5C	chr15:52484514-52587995	0.619264	0.602662	-0.039205	0.980184
XLOC_020771	NUP205	chr7:135242661-135333499	16.0764	15.6459	-0.0391533	0.970681
XLOC_008142	COQ9	chr16:57462086-57495187	29.7278	28.934	-0.0390441	0.981441
XLOC_006865	RDH11	chr14:68143518-68162510	16.5207	16.0801	-0.0389997	0.972183
XLOC_014791	RBFOX2	chr22:36134782-36424585	16.6948	16.2498	-0.0389776	0.970539
XLOC_011806	TMEM143	chr19:48835615-48867186	3.68462	3.58643	-0.0389677	0.978996
XLOC_005208	ZNF140	chr12:133657036-133684258	7.07945	6.89093	-0.0389399	0.974348
XLOC_001654	EVI5	chr1:92974252-93257961	1.65051	1.60658	-0.0389242	0.975484
XLOC_014588	ACO2	chr22:41865128-41940479	22.0873	21.4994	-0.0389219	0.98206
XLOC_016937	SETD7	chr4:140427191-140477577	6.52621	6.3526	-0.0388978	0.972484
XLOC_000281	AGO1	chr1:36348809-36389899	3.23318	3.1472	-0.038885	0.973852
XLOC_009140	SP2	chr17:45973515-46006323	4.55	4.42924	-0.0388078	0.976906
XLOC_008022	ATP2A1	chr16:28889808-28936532	1.12982	1.09985	-0.0387858	0.994068
XLOC_023108	SH3GLB2	chr9:131770312-131790579	138.877	135.196	-0.0387532	0.970994
XLOC_008990	LIG3	chr17:33307516-33332088	5.56956	5.4222	-0.0386861	0.975484
XLOC_020918	RNF216	chr7:5659671-5821361	9.31712	9.07157	-0.0385316	0.972737
XLOC_023698	SSR4	chrX:153051220-153063967	447.241	435.461	-0.0385084	0.975928
XLOC_011017	DKKL1	chr19:49866986-49878373	0.622064	0.605684	-0.0384986	0.991446
XLOC_006499	UBR7	chr14:93669236-93695561	9.51268	9.26233	-0.0384768	0.977897
XLOC_008995	AP2B1	chr17:33914281-34053436	44.024	42.8665	-0.0384384	0.972717
XLOC_004978	SLC35E3	chr12:69139935-69159853	5.58339	5.43678	-0.0383906	0.976876

XLOC_003788	BIRC3	chr11:102188180-102210135	0.470323	0.457992	-0.0383305	0.982229
XLOC_019145	RMND1	chr6:151725896-151773316	31.0279	30.2153	-0.0382881	0.972152
XLOC_002668	SUFU	chr10:104263718-104393214	3.98878	3.88436	-0.0382705	0.977209
XLOC_001521	PIK3R3	chr1:46505811-46598708	0.955353	0.93037	-0.0382304	0.979812
XLOC_008159	CKLF,CKLF-CMTI	chr16:66586465-66613038	56.9616	55.4742	-0.0381724	0.973295
XLOC_020355	FSCN1	chr7:5632435-5646287	161.603	157.385	-0.0381572	0.972525
XLOC_015299	SEC22A	chr3:122920773-122992982	4.18102	4.07197	-0.0381285	0.975532
XLOC_022099	CCNE2	chr8:95835517-95907482	3.53997	3.44785	-0.03804	0.991167
XLOC_017907	FAT2	chr5:150883652-150948505	0.0124265	0.0121033	-0.0380168	1
XLOC_008621	FHOD1	chr16:67263291-67281425	9.23455	8.9944	-0.0380145	0.974593
XLOC_010151	CABYR	chr18:21718954-21741564	0.60055	0.584956	-0.0379569	0.988061
XLOC_017921	MED7	chr5:156565450-156569921	8.38027	8.16292	-0.0379111	0.978016
XLOC_002279	ADSS	chr1:244571793-244615436	10.3996	10.1303	-0.0378496	0.974073
XLOC_003163	RGS10	chr10:121259338-121302222	161.364	157.188	-0.0378331	0.971919
XLOC_011348	RANBP3	chr19:5914192-5978320	22.7024	22.1172	-0.0376796	0.974777
XLOC_007427	IGF1R	chr15:99192760-99507759	2.12217	2.06777	-0.0374667	0.975484
XLOC_000279	TFAP2E	chr1:36038970-36060927	3.77142	3.67493	-0.03739	0.980686
XLOC_021387	ZNF746	chr7:149169883-149194898	12.2459	11.9331	-0.0373257	0.974348
XLOC_016820	SCD5	chr4:83550689-83720010	13.5389	13.1942	-0.0372046	0.974348
XLOC_000360	HPDL	chr1:45792544-45794346	12.9645	12.6346	-0.0371859	0.975928
XLOC_007516	DNAJC17	chr15:41060066-41106767	17.4453	17.002	-0.0371343	0.986782
XLOC_015224	NIT2	chr3:100053561-100074478	66.1663	64.4891	-0.0370409	0.97266
XLOC_003259	SLC22A18	chr11:2909326-2946476	14.1512	13.7929	-0.0369991	0.978818
XLOC_010364	ACAA2	chr18:47309873-47340251	32.9357	32.1019	-0.0369924	0.974348
XLOC_007283	SENP8	chr15:72118360-72433311	1.59823	1.55786	-0.0369107	0.986681
XLOC_007582	LEO1	chr15:52230221-52263958	7.62019	7.42783	-0.0368868	0.975492
XLOC_003893	SPA17	chr11:124492741-124564687	7.54147	7.35146	-0.036815	0.992304
XLOC_014978	RAB5A	chr3:19988571-20053765	13.9719	13.6199	-0.036809	0.97467
XLOC_022399	GCNT1	chr9:79056581-79122332	1.00029	0.975159	-0.0367102	0.980228
XLOC_010371	MEX3C	chr18:48700919-48724051	6.24377	6.08708	-0.0366656	0.97515
XLOC_009588	MYO18A,TIAF1	chr17:27400527-27507407	9.88175	9.63455	-0.0365486	0.978031
XLOC_015781	ARHGEF3	chr3:56761445-57113336	1.32062	1.28761	-0.0365139	0.981543
XLOC_007168	CAPN3	chr15:42651697-42704515	2.01779	1.96736	-0.0365138	0.982903
XLOC_000390	RNF11	chr1:51701944-51739119	16.8622	16.442	-0.0364043	0.973697
XLOC_001183	LOC100288069	chr1:700244-714068	0.946871	0.923286	-0.0363907	0.988974
XLOC_000957	NEK7	chr1:198126107-198291548	3.06688	2.99051	-0.0363798	0.976971
XLOC_013525	PLCB4	chr20:9049700-9461462	0.593035	0.578274	-0.0363656	0.981441
XLOC_022122	PABPC1	chr8:101715143-101734315	942.182	918.762	-0.0363154	0.975612
XLOC_001488	SCMH1	chr1:41480261-41707815	12.7417	12.4251	-0.0362992	0.975484
XLOC_010322	B4GALT6	chr18:29202208-29264686	3.5533	3.46505	-0.0362812	0.975928
XLOC_015732	HYAL2	chr3:50355220-50360281	19.52	19.0354	-0.0362659	0.975492
XLOC_012407	TMEM177	chr2:120436742-120439694	34.6861	33.8257	-0.0362379	0.974593
XLOC_014815	C22orf23	chr22:38339056-38365319	4.52401	4.41193	-0.0361925	0.994058
XLOC_016283	WDR19	chr4:39184023-39287430	2.74112	2.67336	-0.0361126	0.976295
XLOC_010763	LSM14A	chr19:34663351-34720420	26.6235	25.9687	-0.0359246	0.974593
XLOC_004362	NUDT8	chr11:67395408-67397408	43.6703	42.5982	-0.035858	0.9771
XLOC_014599	FAM109B	chr22:42470254-42475442	3.05604	2.98108	-0.0358301	0.980725
XLOC_021515	SLC25A37	chr8:23386362-23430063	26.4649	25.8181	-0.0356983	0.975484
XLOC_016253	LAP3	chr4:17578926-17609590	26.8679	26.2114	-0.0356896	0.974348

XLOC_005653	GNPTAB	chr12:102139274-102224645	2.59538	2.53204	-0.0356444	0.97719
XLOC_021419	PTPRN2	chr7:157331749-158380482	2.3256	2.26896	-0.0355745	0.980228
XLOC_018039	RIOK1	chr6:7390061-7418270	13.1157	12.7965	-0.0355458	0.975492
XLOC_008163	PDP2	chr16:66914382-66925002	2.24681	2.19217	-0.0355191	0.9771
XLOC_003606	CAPN1	chr11:64948685-64979477	90.6181	88.4186	-0.0354487	0.975484
XLOC_010287	PPP4R1	chr18:9546788-9614605	8.68111	8.47085	-0.0353719	0.975454
XLOC_005076	RIC8B	chr12:106751435-107283094	1.55627	1.51858	-0.0353673	0.982189
XLOC_006493	SLC24A4	chr14:92788924-92967825	0.00474325	0.00462845	-0.035345	1
XLOC_005493	CALCOCO1	chr12:54104901-54121307	9.30546	9.08043	-0.0353179	0.975592
XLOC_002255	RBM34	chr1:235294497-235324571	26.2084	25.5755	-0.0352638	0.975492
XLOC_004068	LOC440028	chr11:9776316-10315754	1.8245	1.78046	-0.0352519	0.992304
XLOC_022202	TSNARE1	chr8:143293440-143484543	5.46067	5.32908	-0.0351934	0.980725
XLOC_013644	RPRD1B	chr20:36661947-36720766	6.39004	6.23608	-0.0351854	0.975492
XLOC_017869	GNPDA1	chr5:141380233-141392620	101.323	98.8835	-0.0351662	0.975484
XLOC_016795	RCHY1	chr4:76404246-76439640	5.78776	5.64856	-0.0351231	0.975484
XLOC_006876	COX16,SYNJ2BP	chr14:70791797-70883807	31.5476	30.7923	-0.0349618	0.975928
XLOC_020812	ZYX	chr7:143078359-143220540	334.774	326.766	-0.0349287	0.975211
XLOC_003575	C11orf84	chr11:63580922-63595190	43.738	42.6918	-0.034926	0.974348
XLOC_022314	CHMP5	chr9:33264876-33282067	34.0224	33.2089	-0.0349156	0.974777
XLOC_008390	CREBBP	chr16:3775055-3930121	3.22223	3.14545	-0.0347957	0.975492
XLOC_017166	RAD17	chr5:68647552-68710630	7.67572	7.49289	-0.0347802	0.992304
XLOC_023125	TTF1	chr9:135250936-135282238	8.71759	8.51046	-0.0346917	0.977897
XLOC_015765	MUSTN1,TMEM1	chr3:52867130-52931597	5.47557	5.34552	-0.0346789	0.983243
XLOC_015946	PLXND1	chr3:129274055-129325582	8.33176	8.13394	-0.0346678	0.975928
XLOC_009790	ARHGAP27	chr17:43471267-43503012	6.65195	6.49406	-0.0346567	0.978016
XLOC_005583	PTPRB	chr12:70910631-71031220	0.00755192	0.00737294	-0.0346042	1
XLOC_022915	CDK20	chr9:90581358-90589695	8.31014	8.11326	-0.0345909	0.977897
XLOC_004961	TMEM5	chr12:64173636-64202887	10.0326	9.79524	-0.0345389	0.978818
XLOC_003818	C11orf57	chr11:111944967-111957522	9.67172	9.4431	-0.0345119	0.981602
XLOC_023480	JPX	chrX:73164158-73513409	3.18859	3.11334	-0.0344582	0.982866
XLOC_003132	XPNPEP1	chr10:111624523-111683311	31.1685	30.4334	-0.0344361	0.975492
XLOC_005178	BRI3BP	chr12:125478193-125510349	13.8742	13.5471	-0.0344249	0.978996
XLOC_011873	SHANK1	chr19:51165083-51220195	5.28074	5.1563	-0.0344048	0.978016
XLOC_001359	IL22RA1	chr1:24446260-24469775	0.417834	0.408023	-0.0342805	0.988974
XLOC_003990	RHOG	chr11:3848207-3862213	54.7584	53.4732	-0.0342627	0.975654
XLOC_007257	RAB11A	chr15:66161796-66184329	23.3152	22.7687	-0.0342191	0.975654
XLOC_008460	CRYM	chr16:21269838-21329912	0.857521	0.837455	-0.0341598	0.990965
XLOC_008239	NUDT7	chr16:77756388-77776157	4.17065	4.07306	-0.0341591	0.98226
XLOC_000966	NAV1	chr1:201617449-201796102	1.48452	1.4498	-0.0341422	0.977857
XLOC_016449	CISD2	chr4:103790134-103940896	6.54614	6.39311	-0.0341266	0.975492
XLOC_010936	CLASRP	chr19:45542297-45574214	18.816	18.3782	-0.0339699	0.976572
XLOC_015161	RPP14	chr3:58291971-58305920	5.89921	5.76204	-0.0339439	0.97713
XLOC_008224	DHODH	chr16:72042642-72059316	7.03454	6.8712	-0.0338939	0.978016
XLOC_020978	HOXA5	chr7:27179982-27196296	8.89275	8.68633	-0.0338815	0.988442
XLOC_012329	MRPL30	chr2:99797541-99816020	17.2535	16.8533	-0.0338615	0.975492
XLOC_004993	TBC1D15	chr12:72233486-72320629	5.58939	5.46005	-0.0337763	0.975492
XLOC_000297	NDUFS5	chr1:39491966-39500308	366.32	357.849	-0.0337539	0.975492
XLOC_021504	SORBS3	chr8:22409250-22433008	103.475	101.084	-0.0337255	0.975484
XLOC_014671	DGCR2	chr22:19023794-19109967	16.958	16.5667	-0.0336823	0.975502

XLOC_006010	UPF3A	chr13:115047058-115071291	14.5919	14.2556	-0.0336435	0.975592
XLOC_012253	INO80B,WBP1	chr2:74682149-74688018	72.1223	70.4624	-0.0335933	0.975928
XLOC_002473	ARID5B	chr10:63661012-63856707	0.217362	0.212372	-0.0335096	1
XLOC_016692	LOC100505912	chr4:22328989-22341289	0.221754	0.216669	-0.033469	1
XLOC_021855	PPP1R3B	chr8:8993763-9009152	15.9013	15.5367	-0.0334661	0.97562
XLOC_012850	RBKS	chr2:28004265-28561767	2.65772	2.5968	-0.0334572	0.994593
XLOC_021105	TBL2	chr7:72983276-72993013	19.694	19.2427	-0.0334475	0.97562
XLOC_017648	MOCS2	chr5:52393894-52405598	16.7213	16.3396	-0.0333131	0.977897
XLOC_015119	HEMK1	chr3:50595455-50622421	5.17582	5.05774	-0.033293	0.980228
XLOC_012988	DCTN1	chr2:74588280-74621008	31.9139	31.1861	-0.0332822	0.97562
XLOC_013849	GPCPD1	chr20:5525079-5591672	3.07573	3.00591	-0.0331292	0.978016
XLOC_009765	MPP3	chr17:41878166-41910547	5.64572	5.51766	-0.0331011	0.978818
XLOC_022933	NOL8	chr9:95059639-95432547	6.69409	6.54226	-0.0331	0.983237
XLOC_004611	FEZ1	chr11:125315640-125366206	0.072995	0.0713456	-0.0329733	1
XLOC_007792	TTC23	chr15:99676527-99789815	3.21289	3.14039	-0.03293	0.978996
XLOC_015929	TXNRD3, TXNRD3	chr3:126290621-126373967	3.68832	3.60515	-0.032901	0.980052
XLOC_000402	LOC100507564	chr1:53692563-53793821	0.180967	0.176895	-0.0328382	1
XLOC_009815	HOXB3	chr17:46626231-46651810	3.60595	3.52512	-0.0327082	0.98003
XLOC_015594	COLQ	chr3:15491639-15563258	0.498364	0.487202	-0.0326812	0.987759
XLOC_012951	PPP3R1	chr2:68405988-68479651	12.4933	12.2137	-0.0326611	0.976134
XLOC_017383	PCDHB14	chr5:140603077-140605860	2.94545	2.87959	-0.032623	0.981441
XLOC_005626	EEA1	chr12:93166284-93323107	1.07157	1.04766	-0.0325556	0.980228
XLOC_015412	GMPS	chr3:155588324-155655520	43.0288	42.0699	-0.032517	0.975484
XLOC_005044	SLC25A3	chr12:98987402-98995778	483.25	472.491	-0.0324831	0.97664
XLOC_023284	SCML1	chrX:17755591-17773105	3.03177	2.96433	-0.0324542	0.981441
XLOC_014116	GABPA	chr21:27096790-27144771	3.00555	2.93875	-0.032426	0.992304
XLOC_007867	NPW	chr16:2069520-2070756	0.412054	0.402899	-0.0324137	0.982152
XLOC_023772	CTPS2	chrX:16606121-16731059	3.93475	3.8476	-0.0323128	0.978818
XLOC_012700	PTMA	chr2:232573234-232578250	1071.43	1047.71	-0.0322964	0.977897
XLOC_001077	H3F3A	chr1:226250407-226259703	402.736	393.825	-0.0322774	0.977021
XLOC_015085	NRADDP	chr3:47053031-47054957	0.096625	0.094491	-0.032219	1
XLOC_000692	ZNF687	chr1:151254790-151300191	7.33333	7.17161	-0.0321721	0.987341
XLOC_003167	FGFR2	chr10:123237843-123357972	0.99447	0.972541	-0.0321685	0.982922
XLOC_000230	MED18	chr1:28655512-28662478	11.4632	11.2105	-0.0321507	0.979267
XLOC_007180	PDIA3	chr15:44038589-44094769	105.154	102.837	-0.032136	0.983738
XLOC_003679	FADD	chr11:70049268-70053508	30.3601	29.6914	-0.0321301	0.97664
XLOC_016179	RNF4	chr4:2470794-2517586	17.2654	16.8857	-0.0320822	0.978016
XLOC_008119	MT1L	chr16:56651372-56652730	1080.87	1057.12	-0.0320588	0.977897
XLOC_003682	CTTN	chr11:70244611-70282690	73.7219	72.1088	-0.0319187	0.97562
XLOC_006321	FAM177A1	chr14:35514112-35552589	4.66704	4.5651	-0.0318597	0.978818
XLOC_022605	NTMT1	chr9:132388434-132404448	134.477	131.543	-0.0318263	0.985692
XLOC_004215	UBE2L6	chr11:57319127-57335803	28.0057	27.3956	-0.0317775	0.978016
XLOC_000575	AHCYL1	chr1:110527386-110566364	23.3156	22.8077	-0.0317758	0.975928
XLOC_009118	CRHR1	chr17:43697709-43913194	7.4779	7.31541	-0.031693	0.981735
XLOC_005495	HOTAIR	chr12:54356091-54370203	0.624867	0.611293	-0.0316842	0.994204
XLOC_002563	FAM35A	chr10:88854952-88951222	4.25209	4.15978	-0.0316646	0.978838
XLOC_014637	ZBED4	chr22:50247496-50283726	3.94291	3.85733	-0.0316584	0.977897
XLOC_006488	CALM1	chr14:90863326-90874619	40.1071	39.2367	-0.0316562	0.977295
XLOC_013063	KIAA1211L	chr2:99410308-99552684	0.243847	0.238568	-0.0315717	1

XLOC_017363	ZMAT2	chr5:140080031-140086239	34.5875	33.8389	-0.0315696	0.975928
XLOC_007496	AQR	chr15:35148551-35261995	4.40322	4.30815	-0.0314897	0.977897
XLOC_008873	TTC19	chr17:15879874-15932723	23.2437	22.7429	-0.0314237	0.978818
XLOC_014660	CECR6	chr22:17597188-17602257	0.449542	0.43986	-0.0314114	0.989954
XLOC_022799	ENHO	chr9:34521039-34523037	15.6708	15.3336	-0.031381	0.981543
XLOC_011533	JUND	chr19:18390562-18392432	114.555	112.107	-0.0311701	0.977897
XLOC_013243	ATP5G3	chr2:176040985-176046490	64.5591	63.1801	-0.0311502	0.97664
XLOC_017233	ARRDC3-AS1	chr5:90664540-90716532	0.10557	0.103323	-0.0310362	1
XLOC_001480	TRIT1	chr1:40306705-40349177	15.5185	15.1883	-0.0310252	0.977897
XLOC_011683	BLVRB	chr19:40953690-40971725	163.746	160.265	-0.0310004	0.9771
XLOC_004387	NUMA1	chr11:71709957-71823822	18.046	17.6624	-0.0309946	0.983243
XLOC_010518	CAPS	chr19:5914192-5978320	2.24455	2.1969	-0.0309526	0.996186
XLOC_003819	SDHD	chr11:111957570-111966518	55.0126	53.8461	-0.0309192	0.976906
XLOC_006925	PTPN21	chr14:88932121-89021123	1.3569	1.32815	-0.0308918	0.98206
XLOC_002607	HELLS	chr10:96305573-96361856	3.37791	3.30637	-0.0308825	0.981019
XLOC_006531	YY1	chr14:100705101-100744804	17.3311	16.9654	-0.0307659	0.978249
XLOC_011959	DNAAF3	chr19:55670028-55678090	27.2945	26.7192	-0.030731	0.978016
XLOC_011921	ZNF468	chr19:53341784-53360902	2.15476	2.10941	-0.0306875	0.981441
XLOC_014760	TBC1D10A	chr22:30687978-30722955	13.8945	13.6022	-0.0306747	0.978818
XLOC_003013	DLG5	chr10:79550548-79686348	4.38018	4.28812	-0.0306469	0.978818
XLOC_022672	C9orf172	chr9:139738866-139741797	0.926388	0.906926	-0.0306317	0.994204
XLOC_007140	BUB1B,PAK6	chr15:40453209-40569688	16.2189	15.8789	-0.0305662	0.978818
XLOC_010414	ZNF516	chr18:74069636-74207146	2.44589	2.39465	-0.0305453	0.979338
XLOC_014251	MRPL39	chr21:26957967-26979801	48.6357	47.6171	-0.0305361	0.977897
XLOC_017939	NUDCD2	chr5:162880585-162887143	39.0523	38.2412	-0.0302788	0.978818
XLOC_016053	ACTRT3	chr3:169484710-169487683	1.11204	1.08895	-0.0302761	0.988974
XLOC_014319	CLDN14	chr21:37832919-37948867	0.0419873	0.0411154	-0.030276	1
XLOC_006849	WDR89	chr14:64063756-64108641	3.2259	3.15892	-0.0302727	0.980228
XLOC_016730	COMMD8	chr4:47452810-47465676	10.1314	9.92126	-0.0302414	0.98003
XLOC_018223	RNF5	chr6:32146161-32148570	67.8738	66.4681	-0.0301925	0.978818
XLOC_013713	RNF114	chr20:48552913-48570422	31.7764	31.1191	-0.0301557	0.977897
XLOC_006447	ISCA2	chr14:74960422-74962271	29.0615	28.4612	-0.0301132	0.978818
XLOC_012612	FASTKD2	chr2:207630111-207660911	5.51523	5.40152	-0.0300561	0.977897
XLOC_015904	KPNA1	chr3:122140747-122233786	5.77114	5.65218	-0.0300468	0.97822
XLOC_003862	ABCG4	chr11:119019749-119033374	1.3863	1.35777	-0.0300094	0.985975
XLOC_023694	SLC6A8	chrX:152953751-152962048	61.8625	60.59	-0.0299847	0.978016
XLOC_022953	LINC00476	chr9:98568369-98731122	4.26034	4.17277	-0.0299631	0.990737
XLOC_009199	PRR11	chr17:57232859-57284070	6.1358	6.0102	-0.0298392	0.978818
XLOC_022589	ODF2	chr9:131217433-131263571	20.7762	20.3511	-0.0298221	0.978818
XLOC_008066	HSD3B7	chr16:30996518-31000473	32.9464	32.2737	-0.0297643	0.97823
XLOC_008687	KARS	chr16:75661621-75681585	76.6045	75.0427	-0.0297173	0.978031
XLOC_008047	CORO1A	chr16:30194730-30200575	19.1143	18.7247	-0.0297061	0.979338
XLOC_020346	TTYH3	chr7:2671602-2704436	20.7416	20.3216	-0.0295133	0.978031
XLOC_013541	CSRP2BP,PET11	chr20:18118498-18169031	17.3673	17.0156	-0.0295131	0.981441
XLOC_007379	PDE8A	chr15:85523743-85682376	5.05225	4.95012	-0.0294623	0.980228
XLOC_017682	CCDC125	chr5:68576518-68616410	2.14197	2.09886	-0.0293326	0.982229
XLOC_005563	C12orf66	chr12:64586418-64616076	1.08486	1.06303	-0.0293314	0.987687
XLOC_000060	CAMTA1	chr1:6845383-7829766	57.7163	56.5553	-0.0293173	0.979348
XLOC_009071	HSD17B1	chr17:40703983-40707232	30.0338	29.4306	-0.02927	0.978818

XLOC_015753	TWF2	chr3:52262625-52273183	113.342	111.076	-0.0291288	0.978818
XLOC_004775	LYRM5	chr12:25348149-25357949	7.946	7.78732	-0.0291027	0.981963
XLOC_004246	VWCE	chr11:61025757-61062788	0.43169	0.423073	-0.029089	0.990183
XLOC_012347	TMEM182	chr2:103378489-103434138	0.699315	0.68538	-0.0290388	0.987377
XLOC_013054	SEMA4C	chr2:97525472-97535735	12.0378	11.7987	-0.0289413	0.98003
XLOC_017912	FAM114A2	chr5:153371268-153418497	3.89204	3.81487	-0.0288935	0.981602
XLOC_000261	ZBTB8A	chr1:33004771-33071542	1.61531	1.58329	-0.0288898	0.981543
XLOC_018237	RING1	chr6:33176285-33180499	37.74	36.9934	-0.0288288	0.978818
XLOC_022082	NBN	chr8:90945563-90996899	10.1883	9.98687	-0.0288157	0.978818
XLOC_010912	ZNF222	chr19:44529493-44537262	3.19114	3.12809	-0.0287869	0.98338
XLOC_012711	GIGYF2	chr2:233562014-233725289	5.83129	5.7161	-0.0287837	0.978996
XLOC_011646	MAP4K1	chr19:39078280-39108643	0.27388	0.268483	-0.0287128	1
XLOC_002593	MARCH5	chr10:94050919-94113721	10.3425	10.1388	-0.0286981	0.978818
XLOC_014904	MAPK11	chr22:50702141-50708779	13.8824	13.6091	-0.0286778	0.980696
XLOC_000193	MAN1C1	chr1:25943958-26111258	0.083661	0.0820147	-0.0286729	1
XLOC_018770	CLIC1	chr6:31698357-31704341	558.193	547.21	-0.0286696	0.978818
XLOC_016079	DCUN1D1	chr3:182660558-182698326	3.87078	3.79471	-0.0286343	0.981602
XLOC_020693	BCAP29	chr7:107220421-107263762	9.87363	9.67983	-0.0285992	0.978818
XLOC_014523	FBXO7	chr22:32870706-32894818	63.6104	62.3673	-0.0284727	0.978818
XLOC_004982	YEATS4	chr12:69753531-69784576	27.4272	26.8913	-0.0284667	0.979451
XLOC_014704	PPM1F	chr22:22273791-22307250	12.1818	11.9449	-0.0283292	0.978838
XLOC_014079	PTK6	chr20:62159775-62168723	4.28625	4.20296	-0.0283105	0.983738
XLOC_010095	SMCHD1	chr18:2655885-2805015	2.86689	2.81122	-0.0282878	0.979267
XLOC_000363	AKR1A1	chr1:46016454-46035723	128.383	125.893	-0.0282508	0.978818
XLOC_001815	RFX5	chr1:151313115-151319769	15.4217	15.1228	-0.0282418	0.978818
XLOC_023270	OFD1	chrX:13752831-13787480	4.9519	4.85594	-0.0282315	0.981335
XLOC_023143	BRD3	chr9:136890560-136933141	8.27297	8.11294	-0.0281817	0.98206
XLOC_006102	NUFIP1	chr13:45513383-45563613	2.5701	2.52064	-0.0280364	0.98206
XLOC_002730	WDR11	chr10:122216465-122806858	3.90867	3.83371	-0.0279354	0.981441
XLOC_022959	CDC14B	chr9:99262394-99382112	3.94923	3.87354	-0.0279171	0.981
XLOC_003817	DLAT	chr11:111895537-111944895	4.88792	4.79434	-0.0278897	0.981441
XLOC_004781	ARNTL2	chr12:27485786-27578746	3.10153	3.04223	-0.0278474	0.980228
XLOC_009981	ACOX1	chr17:73937588-74002080	4.24231	4.16142	-0.0277747	0.984445
XLOC_021209	GATS	chr7:99775537-99869855	1.65288	1.62139	-0.027748	0.987173
XLOC_009622	PEX12	chr17:33901813-33905656	1.20712	1.18414	-0.0277227	0.98807
XLOC_002104	TMEM9	chr1:201103899-201123632	72.1119	70.741	-0.0276902	0.978996
XLOC_003689	KRTAP5-10	chr11:71276608-71277666	0.0506629	0.0497013	-0.0276484	1
XLOC_020588	CROT	chr7:86974950-87029112	0.645179	0.632944	-0.0276217	0.991175
XLOC_005772	RILPL2	chr12:123899935-123921264	28.2027	27.6696	-0.0275323	0.980744
XLOC_012317	CNNM3	chr2:97481990-97501121	7.55249	7.41001	-0.0274769	0.980228
XLOC_003498	C11orf31	chr11:57479994-57586652	163.45	160.367	-0.0274676	0.988052
XLOC_010136	ANKRD20A5P	chr18:14179095-14227049	0.0593694	0.0582512	-0.027433	1
XLOC_018652	CCDC90A	chr6:13786780-13814792	4.96336	4.87	-0.0273976	0.981441
XLOC_018786	PRRT1	chr6:32116139-32119720	2.65745	2.60758	-0.0273328	0.990165
XLOC_021485	NAT1	chr8:18027970-18081198	1.89789	1.86233	-0.0272911	0.987173
XLOC_006430	RBM25	chr14:73525220-73588076	12.0978	11.8713	-0.0272734	0.979267
XLOC_008455	THUMPDI	chr16:20744988-20753199	4.15896	4.08135	-0.0271767	0.981441
XLOC_013105	ANAPC1	chr2:112525213-112641741	6.27939	6.16272	-0.0270584	0.980228
XLOC_021484	PCM1	chr8:17780365-17887457	5.06998	4.9759	-0.0270227	0.978996

XLOC_015057	TCAIM	chr3:44379610-44450940	6.25783	6.14201	-0.0269523	0.982866
XLOC_022813	STOML2	chr9:35099888-35103154	310.548	304.804	-0.0269342	0.981179
XLOC_015720	GMPPB	chr3:49726949-49761384	6.86353	6.73718	-0.0268071	0.994068
XLOC_012470	RIF1	chr2:152266396-152333860	2.02248	1.98525	-0.0268011	0.981441
XLOC_007536	CDAN1	chr15:43015759-43029417	4.98459	4.89286	-0.0267968	0.981602
XLOC_005362	ASUN	chr12:27058111-27091254	10.4394	10.2481	-0.0266806	0.980228
XLOC_017726	SCARNA18	chr5:82348664-82373272	11.7818	11.5659	-0.0266752	0.983243
XLOC_012013	CHMP2A	chr19:59062932-59066486	101.159	99.3064	-0.0266662	0.98003
XLOC_005026	CRADD	chr12:94071150-94244531	9.874	9.6932	-0.0266618	0.984093
XLOC_017749	ERAP1	chr5:95997740-96149848	2.47472	2.42945	-0.0266306	0.994507
XLOC_014198	PDXK	chr21:45138977-45182188	16.8226	16.5154	-0.0265871	0.978818
XLOC_000567	GNAI3	chr1:110091185-110138454	15.4274	15.1462	-0.0265399	0.980228
XLOC_017698	FAM169A	chr5:74073398-74162663	2.42312	2.37917	-0.0264058	0.98206
XLOC_012662	DNAJB2	chr2:220144039-220151622	34.2351	33.615	-0.0263703	0.981441
XLOC_021595	LYN	chr8:56792385-56925006	11.171	10.9691	-0.0263199	0.980228
XLOC_010850	PLEKHG2	chr19:39903749-39919055	5.66598	5.56358	-0.0263134	0.981441
XLOC_014387	MCM3AP	chr21:47649157-47705236	8.23021	8.08236	-0.0261519	0.981441
XLOC_014545	PDXP	chr22:38054736-38062939	46.072	45.2455	-0.0261151	0.981441
XLOC_004299	PPP1R14B	chr11:64011950-64014413	434.592	426.804	-0.0260878	0.98004
XLOC_013610	ZNF341	chr20:32319807-32380075	1.61647	1.58754	-0.0260539	0.987759
XLOC_008584	NUDT21	chr16:56463047-56485261	23.3862	22.9692	-0.0259579	0.980228
XLOC_005550	CDK4	chr12:58138783-58146230	190.302	186.911	-0.0259376	0.981364
XLOC_007989	POLR3E	chr16:22308695-22346424	9.62145	9.45029	-0.0258958	0.981735
XLOC_008399	ANKS3	chr16:4746510-4799397	7.46942	7.33684	-0.0258364	0.983243
XLOC_016625	DGKQ	chr4:952671-967348	5.90989	5.80516	-0.0257963	0.982229
XLOC_017612	NADKD1	chr5:36192693-36242258	3.81251	3.74524	-0.0256841	0.98244
XLOC_012196	KIAA1841	chr2:61293005-61365169	0.331839	0.325986	-0.0256771	1
XLOC_011413	S1PR2	chr19:10332108-10341948	5.86234	5.7594	-0.0255577	0.983243
XLOC_008504	DOC2A	chr16:30007530-30022401	13.2254	12.9935	-0.0255242	0.991951
XLOC_012805	WDR35	chr2:20110028-20189884	2.48751	2.44389	-0.0255203	0.981659
XLOC_014426	SNAP29	chr22:21213291-21245501	6.81723	6.69777	-0.0255047	0.981441
XLOC_012448	RAB3GAP1	chr2:135809834-135928279	8.84422	8.68991	-0.0253943	0.981441
XLOC_004573	MCAM	chr11:119179233-119187840	0.0109533	0.0107625	-0.0253497	1
XLOC_009770	LSM12	chr17:42112002-42144987	60.9779	59.9186	-0.0252836	0.981441
XLOC_021151	SRI	chr7:87834431-87856308	66.8729	65.7128	-0.0252466	0.982623
XLOC_007634	PDCD7	chr15:65409716-65426174	16.5916	16.3045	-0.025189	0.981504
XLOC_002466	UBE2D1	chr10:60094738-60130513	10.6742	10.4908	-0.0249992	0.981975
XLOC_017069	SRD5A1	chr5:6633499-6669675	3.40168	3.34335	-0.0249541	0.987159
XLOC_020579	PHTF2	chr7:77428108-77586821	2.4321	2.39048	-0.0249051	0.984547
XLOC_000981	TMEM183A	chr1:202976533-202993197	34.1132	33.53	-0.0248766	0.981441
XLOC_006117	MED4	chr13:48649863-48669277	15.1132	14.8557	-0.0247937	0.981543
XLOC_010051	STRA13	chr17:79976578-79980785	75.288	74.008	-0.024738	0.98206
XLOC_000226	SMPDL3B	chr1:28261503-28285663	1.54046	1.51431	-0.0247006	0.991446
XLOC_001202	CCNL2	chr1:1321090-1334718	30.1652	29.6533	-0.0246962	0.981975
XLOC_018084	ACOT13	chr6:24667262-24719403	6.85482	6.73855	-0.0246811	0.992882
XLOC_010003	SOCS3	chr17:76352858-76356158	22.4947	22.1135	-0.0246583	0.981441
XLOC_022784	SMU1	chr9:33041849-33076714	9.76237	9.59838	-0.02444	0.981441
XLOC_007997	UBFD1	chr16:23568861-23585710	7.48087	7.3555	-0.0243826	0.982248
XLOC_004624	C11orf45	chr11:128761312-128787951	0.0254163	0.0249908	-0.024357	1

XLOC_015681	SMARCC1	chr3:47627377-47823405	18.2497	17.9444	-0.0243398	0.981441
XLOC_021422	NCAPG2	chr7:158424002-158497520	8.71678	8.57104	-0.0243237	0.981543
XLOC_001583	TM2D1	chr1:62146718-62191095	25.9553	25.5224	-0.0242606	0.983243
XLOC_007115	LOC100288637	chr15:30938317-31065209	1.14087	1.12189	-0.0242049	0.987173
XLOC_008213	FUK	chr16:70488497-70514177	4.15915	4.08999	-0.0241921	0.985175
XLOC_012212	ACTR2	chr2:65454828-65498390	35.4139	34.8253	-0.0241817	0.981441
XLOC_010939	BLOC1S3	chr19:45682002-45685058	10.9386	10.757	-0.0241488	0.983243
XLOC_020429	AQP1	chr7:30951414-30965131	0.192021	0.188834	-0.024144	1
XLOC_022245	CYHR1	chr8:145675314-145691031	68.3508	67.2192	-0.024086	0.98206
XLOC_004814	TMEM106C	chr12:48357329-48362661	96.6331	95.0361	-0.0240425	0.981659
XLOC_007917	GLIS2	chr16:4382224-4389598	12.135	11.9352	-0.0239563	0.98338
XLOC_001438	ZMYM6NB	chr1:35447126-35450948	33.4964	32.9452	-0.0239362	0.982641
XLOC_002119	ADIPOR1	chr1:202909959-202927700	50.2103	49.3859	-0.0238846	0.981441
XLOC_010334	RPRD1A	chr18:33569791-33647373	10.0721	9.90679	-0.0238753	0.98206
XLOC_000408	MRPL37	chr1:54665839-54684056	180.153	177.197	-0.0238712	0.981441
XLOC_001528	EFCAB14	chr1:47139707-47184736	6.41026	6.30538	-0.0238008	0.982623
XLOC_005498	CBX5	chr12:54624730-54673915	4.14178	4.07404	-0.0237888	0.985175
XLOC_023407	GSPT2	chrX:51486480-51489326	4.46476	4.39176	-0.0237828	0.985175
XLOC_003728	CAPN5	chr11:76777991-76837198	5.07019	4.98764	-0.0236829	0.983529
XLOC_019046	HDAC2	chr6:114257319-114292359	6.37427	6.27062	-0.0236522	0.98206
XLOC_018946	LMBRD1	chr6:70385640-70507049	8.10999	7.97835	-0.023609	0.984228
XLOC_019100	BCLAF1	chr6:136578000-136610989	10.3582	10.1903	-0.0235838	0.981441
XLOC_003238	AP2A2	chr11:925808-1012245	13.3963	13.1793	-0.0235625	0.982229
XLOC_000286	THRAP3	chr1:36690016-36770957	25.3141	24.9054	-0.0234846	0.981602
XLOC_012482	MARCH7	chr2:160569009-160625084	12.7163	12.5113	-0.0234476	0.981602
XLOC_010915	ZNF224	chr19:44598481-44617336	0.029087	0.0286181	-0.0234473	1
XLOC_008380	ZNF200	chr16:3272324-3285457	3.14343	3.09284	-0.0234104	0.986782
XLOC_013620	ACSS2	chr20:33462765-33515769	6.44487	6.34134	-0.0233631	0.984318
XLOC_005990	ING1	chr13:111364969-111373421	5.88273	5.78831	-0.0233451	0.985739
XLOC_011011	CGB5	chr19:49547101-49548568	0.397243	0.390869	-0.0233375	0.985492
XLOC_002273	CHML	chr1:241695433-241803701	1.61926	1.59339	-0.0232345	0.985492
XLOC_021811	C8orf33	chr8:146277823-146281416	38.4402	37.8274	-0.0231829	0.982866
XLOC_018788	AGPAT1	chr6:32120578-32145888	32.4479	31.9307	-0.0231794	0.991175
XLOC_010835	FAM98C	chr19:38893774-38916945	45.2884	44.5694	-0.0230888	0.982866
XLOC_017971	RAB24	chr5:176728198-176730744	26.0063	25.5955	-0.0229723	0.983243
XLOC_008185	NUTF2	chr16:67862059-67905219	255.751	251.724	-0.0229007	0.985768
XLOC_007441	HERC2P3	chr15:20613649-20711433	0.474716	0.467243	-0.0228934	0.992304
XLOC_007241	TPM1	chr15:63334837-63364113	47.0099	46.2733	-0.0227864	0.982623
XLOC_012155	MTA3	chr2:42795670-42936353	12.7001	12.5012	-0.0227696	0.983529
XLOC_010624	CCDC130	chr19:13858752-13874106	19.4638	19.1598	-0.0227147	0.984084
XLOC_010000	TMC6	chr17:76108998-76139049	30.7906	30.3113	-0.0226327	0.98217
XLOC_021771	THEM6	chr8:143808620-143818350	71.7943	70.68	-0.0225664	0.982866
XLOC_004813	SLC48A1	chr12:48166966-48213763	8.47781	8.347	-0.0224331	0.992737
XLOC_009591	GIT1	chr17:27900486-27916610	36.196	35.6391	-0.0223709	0.981659
XLOC_013263	CWC22	chr2:180809603-180871780	4.07945	4.01701	-0.022253	0.985492
XLOC_014013	SLC13A3,TP53RK	chr20:45186461-45318276	6.64051	6.53901	-0.0222217	0.983962
XLOC_023039	CDK5RAP2	chr9:123151146-123342448	4.56911	4.49943	-0.0221724	0.983529
XLOC_009247	LINC00674	chr17:66097695-66132070	2.54002	2.50131	-0.0221588	0.983243
XLOC_020491	EGFR	chr7:55086724-55275031	1.03992	1.02415	-0.0220434	0.990368

XLOC_016455	AIMP1	chr4:106967232-107270381	19.9533	19.6513	-0.0220046	0.983243
XLOC_012004	ZSCAN18	chr19:58595208-58629793	0.0565212	0.055667	-0.0219711	1
XLOC_001616	USP33	chr1:78161673-78225564	6.48939	6.39205	-0.0218028	0.984228
XLOC_001753	NOTCH2	chr1:120454175-120612317	4.15017	4.08803	-0.0217657	0.983243
XLOC_009745	STAT3	chr17:40465342-40540513	8.69693	8.56726	-0.0216715	0.984445
XLOC_023422	GNL3L	chrX:54556643-54593720	3.67698	3.62218	-0.0216621	0.98439
XLOC_017697	GFM2	chr5:73980968-74072737	11.4357	11.2657	-0.0216004	0.994734
XLOC_008769	CYB5D2	chr17:4046461-4060995	15.4125	15.1844	-0.0215089	0.986998
XLOC_015235	NFKBIZ,NXPE3	chr3:101498028-101579869	18.2101	17.9406	-0.0215072	0.984084
XLOC_008321	WDR24	chr16:734701-740400	6.8166	6.71627	-0.0213931	0.986998
XLOC_020850	ZNF775	chr7:150076405-150095719	8.4599	8.33555	-0.0213617	0.988761
XLOC_005168	SNRNP35	chr12:123942650-123950941	11.3091	11.143	-0.0213407	0.988974
XLOC_010017	EIF4A3	chr17:78109012-78120982	75.1799	74.078	-0.0213027	0.983243
XLOC_008016	SBK1	chr16:28303839-28335170	3.84816	3.79203	-0.0211996	0.98791
XLOC_017791	HINT1	chr5:130494975-130501041	701.083	690.871	-0.0211683	0.984309
XLOC_005023	NUDT4	chr12:93771700-93797024	16.6716	16.4291	-0.0211377	0.983664
XLOC_023020	CDC26	chr9:116029289-116037869	57.3127	56.4795	-0.0211282	0.984547
XLOC_013464	HDLBP	chr2:242166681-242293441	30.9596	30.5101	-0.021097	0.991167
XLOC_020409	HOXA-AS3	chr7:27179982-27196296	0.028398	0.0279881	-0.0209767	1
XLOC_020621	BRI3	chr7:97910978-98030427	334.094	329.291	-0.020888	0.989716
XLOC_001652	GLMN	chr1:92711954-92853732	5.12641	5.05273	-0.0208871	0.992304
XLOC_008631	CENPT	chr16:67862059-67905219	17.8196	17.5636	-0.02087	0.994734
XLOC_021345	HIPK2	chr7:139246315-139477693	1.71267	1.68819	-0.0207671	0.985712
XLOC_001407	PUM1	chr1:31404352-31538564	8.07596	7.96118	-0.0206526	0.985373
XLOC_017140	SETD9	chr5:56205086-56247954	3.38215	3.33412	-0.0206334	0.994125
XLOC_020700	IFRD1	chr7:112063198-112117258	16.7006	16.4637	-0.0206122	0.985692
XLOC_007916	DNASE1	chr16:3702939-3767598	0.52099	0.5136	-0.0206105	0.997814
XLOC_024082	GPC4	chrX:132435063-132549205	5.68302	5.60295	-0.0204722	0.985492
XLOC_004920	ERBB3	chr12:56473808-56497291	4.21874	4.15958	-0.0203721	0.992304
XLOC_023815	CXorf38	chrX:40486172-40506819	2.38202	2.34867	-0.0203379	0.989716
XLOC_018785	FKBP1	chr6:32096483-32098067	5.28528	5.21139	-0.0203125	0.991175
XLOC_023408	MAGED1	chrX:51546154-51645450	21.7913	21.4879	-0.0202254	0.984084
XLOC_004780	STK38L	chr12:27397077-27478890	2.83923	2.7998	-0.0201744	0.987386
XLOC_024069	ELF4	chrX:129198894-129244688	7.82134	7.71282	-0.0201569	0.985768
XLOC_007147	RPUSD2	chr15:40861536-40866661	17.758	17.512	-0.0201214	0.986681
XLOC_020638	ZSCAN21	chr7:99647416-99679371	1.41177	1.39224	-0.0200981	0.997314
XLOC_022810	VCP	chr9:35056064-35072739	59.9509	59.1229	-0.0200644	0.986108
XLOC_004651	FKBP4	chr12:2904107-2914587	67.506	66.5777	-0.0199762	0.986181
XLOC_006900	NEK9	chr14:75548817-75593778	5.95011	5.86832	-0.0199699	0.986181
XLOC_007339	TMED3	chr15:79603490-79615189	106.522	105.061	-0.0199288	0.985692
XLOC_008165	CES3	chr16:66995131-67009052	5.91552	5.83441	-0.0199186	0.988513
XLOC_013654	ACTR5	chr20:37377096-37401089	5.24874	5.17678	-0.0199144	0.988327
XLOC_020414	TAX1BP1	chr7:27778991-27869386	15.2331	15.0263	-0.0197185	0.986743
XLOC_009877	TRIM37	chr17:56833229-57184266	4.25009	4.19242	-0.0197084	0.987159
XLOC_018432	C6orf203	chr6:107349406-107372547	14.8695	14.6682	-0.0196663	0.988549
XLOC_018742	PPP1R18	chr6:30644165-30655672	54.9359	54.1936	-0.019626	0.984445
XLOC_018322	TMEM63B	chr6:44095375-44123256	10.6382	10.4945	-0.0196103	0.986782
XLOC_016862	LAMTOR3	chr4:100799494-100815703	5.11604	5.0471	-0.0195738	0.986844
XLOC_018807	COL11A2	chr6:33130468-33160245	0.285385	0.281565	-0.0194379	1

XLOC_002447	ZNF488	chr10:48355088-48373866	0.222491	0.219522	-0.0193826	1
XLOC_006829	EXOC5	chr14:57669193-57756797	3.1089	3.06742	-0.0193805	0.989716
XLOC_017746	GLRX	chr5:95149552-95158577	635.494	627.015	-0.0193775	0.985839
XLOC_005175	DNAH10	chr12:124247041-124420267	0.0811963	0.0801144	-0.0193524	1
XLOC_000965	RPS10P7	chr1:201489031-201489720	1.92035	1.8948	-0.019325	0.995328
XLOC_008446	GDE1	chr16:19513014-19533450	22.7434	22.4409	-0.0193174	0.985956
XLOC_006363	MAPK11P1L	chr14:55518361-55536912	10.3037	10.1669	-0.019284	0.986439
XLOC_009965	SUMO2	chr17:73163824-73179098	292.728	288.859	-0.0191942	0.98512
XLOC_021567	GOLGA7	chr8:41348080-41368499	34.6006	34.1438	-0.0191742	0.986181
XLOC_012779	KIDINS220	chr2:8868986-8977755	2.20394	2.17502	-0.0190551	0.989512
XLOC_010693	PIK3R2	chr19:18263987-18281343	27.1664	26.8103	-0.0190363	0.985768
XLOC_015835	DHFR1L	chr3:93776765-93845630	0.935765	0.923541	-0.0189699	0.993528
XLOC_022167	TATDN1	chr8:125487007-125551329	60.6086	59.8182	-0.0189374	0.992304
XLOC_021865	CTSB	chr8:11700033-11725646	46.2256	45.6257	-0.0188451	0.985492
XLOC_021948	PPP2CB	chr8:30643125-30670352	38.117	37.6248	-0.0187524	0.986916
XLOC_005428	PRKAG1	chr12:49396054-49412629	45.61	45.0224	-0.018707	0.986458
XLOC_001394	SNHG12	chr1:28879528-28908366	30.5645	30.171	-0.0186935	0.994582
XLOC_007971	CCP110	chr16:19535178-19564728	1.75439	1.73189	-0.0186165	0.990042
XLOC_016398	BMP2K	chr4:79697531-79833341	2.19611	2.16798	-0.0185987	0.991446
XLOC_017066	KIAA0947	chr5:5422785-5490347	2.9043	2.86734	-0.0184738	0.987759
XLOC_017115	C5orf51	chr5:41904469-41921738	4.4723	4.41547	-0.0184477	0.988327
XLOC_013194	WDSUB1	chr2:160092303-160143236	5.48553	5.41584	-0.0184452	0.991044
XLOC_017036	FLJ38576	chr4:187110185-187112644	0.0652841	0.0644566	-0.0184026	1
XLOC_001238	GPR153	chr1:6307405-6321035	5.26679	5.20006	-0.0183972	0.991167
XLOC_002663	NFKB2	chr10:104153866-104162286	41.7594	41.2312	-0.0183669	0.987759
XLOC_012508	GORASP2	chr2:171784947-171823643	33.6952	33.2696	-0.0183389	0.986681
XLOC_007959	ABCC1	chr16:16043433-16236930	10.6105	10.4773	-0.0182331	0.987168
XLOC_015919	SNX4	chr3:125165487-125239058	4.87454	4.81354	-0.018169	0.990631
XLOC_023202	WDR85	chr9:140449360-140473387	34.9146	34.4819	-0.0179901	0.988114
XLOC_014443	PPIL2	chr22:22020272-22090071	7.74541	7.64948	-0.0179807	0.991515
XLOC_023093	NAIF1	chr9:130823511-130829599	3.39916	3.35719	-0.0179231	0.991167
XLOC_001976	NR113	chr1:161195832-161208000	1.38824	1.37112	-0.0179022	0.997552
XLOC_018059	SIRT5	chr6:13574760-13615390	4.69877	4.64098	-0.0178522	0.990711
XLOC_015612	TOP2B	chr3:25469753-25705863	13.4251	13.2608	-0.0177688	0.987173
XLOC_005569	TMBIM4	chr12:66530716-66563807	30.6518	30.2768	-0.0177586	0.987173
XLOC_000605	HIPK1	chr1:114471995-114520491	2.35689	2.32806	-0.017756	0.990711
XLOC_002905	AGAP4	chr10:46321049-46342921	0.820452	0.810422	-0.0177457	0.993578
XLOC_021906	BIN3	chr8:22462144-22526661	16.3299	16.1305	-0.0177254	0.994734
XLOC_010837	EIF3K	chr19:39109721-39127595	294.376	290.789	-0.0176889	0.987173
XLOC_008795	TXNDC17	chr17:6481644-6554954	32.7073	32.3101	-0.0176249	0.991193
XLOC_005636	NTN4	chr12:96043030-96184536	0.436974	0.431698	-0.0175238	0.993828
XLOC_022443	PHF2	chr9:96338908-96441869	4.25238	4.20111	-0.0175005	0.990104
XLOC_011066	CD33	chr19:51728334-51743274	0.0766865	0.0757701	-0.0173432	1
XLOC_023581	WDR44	chrX:117480035-117583923	1.44488	1.42764	-0.0173258	0.992304
XLOC_015017	VILL	chr3:38035077-38048676	0.357753	0.353517	-0.0171849	1
XLOC_013130	BIN1	chr2:127805598-127864903	33.3063	32.9142	-0.0170834	0.988779
XLOC_006236	RASA3	chr13:114747193-114898095	17.0123	16.8122	-0.0170702	0.989291
XLOC_000645	RNF115	chr1:145611035-145688776	7.20404	7.1194	-0.0170518	0.991175
XLOC_008222	ATXN1L	chr16:71879893-71891236	2.04342	2.01944	-0.0170263	0.990711

XLOC_003579	OTUB1	chr11:63753324-63765892	63.2115	62.4703	-0.0170166	0.987759
XLOC_004969	LEMD3	chr12:65563350-65642141	3.18512	3.14811	-0.016862	0.990781
XLOC_022517	ZNF618	chr9:116638561-116818875	2.12893	2.10429	-0.0167963	0.990684
XLOC_015041	CTNNB1	chr3:41240941-41281939	55.901	55.2555	-0.016756	0.989716
XLOC_008468	CDR2	chr16:22357256-22385938	7.7082	7.61963	-0.0166717	0.990667
XLOC_006401	CHURC1,CHURC	chr14:65381078-65569413	23.9836	23.7084	-0.0166516	0.994068
XLOC_006481	ZC3H14	chr14:89029252-89079853	9.25654	9.15034	-0.016647	0.990614
XLOC_021053	SEPT7P2	chr7:45763385-45808617	1.46918	1.45235	-0.0166249	0.993578
XLOC_012906	FBXO11	chr2:48010220-48132932	8.52336	8.42624	-0.0165328	0.992882
XLOC_007699	SNUPN	chr15:75890423-75918719	17.8488	17.6467	-0.016429	0.990368
XLOC_016147	CEP19	chr3:196433147-196439123	0.582862	0.576274	-0.0163997	0.994953
XLOC_018878	TBCC	chr6:42712233-42713884	18.0398	17.837	-0.0163101	0.991175
XLOC_000918	IER5	chr1:181057637-181059979	21.4741	21.2334	-0.0162623	0.991167
XLOC_009070	NAGLU	chr17:40687950-40696466	19.4693	19.2511	-0.0162582	0.990421
XLOC_008235	TERF2IP	chr16:75681634-75691341	24.6753	24.3992	-0.0162353	0.989716
XLOC_007690	ULK3	chr15:75128458-75135552	25.0045	24.7251	-0.0162151	0.989442
XLOC_015398	SELT	chr3:150321065-150348234	26.8234	26.526	-0.0160844	0.988398
XLOC_020453	RALA	chr7:39663151-39747723	13.2197	13.0731	-0.0160834	0.989857
XLOC_022442	FAM120A	chr9:96208781-96328397	43.5596	43.0799	-0.0159739	0.991149
XLOC_023525	ARMCX5,ARMCX	chrX:101854095-101972661	3.03873	3.00533	-0.0159458	0.992304
XLOC_021559	ADAM9	chr8:38854504-38962779	13.3738	13.2272	-0.0159042	0.990781
XLOC_003609	CDC42EP2	chr11:65082288-65089900	21.6145	21.3778	-0.0158889	0.991175
XLOC_008234	GABARAPL2	chr16:75600248-75611779	102.221	101.102	-0.0158776	0.991175
XLOC_016959	LRBA	chr4:151185810-151936649	4.14156	4.09632	-0.0158465	0.988974
XLOC_001365	C1orf63	chr1:25568739-25573985	10.5218	10.4073	-0.0157781	0.991698
XLOC_013306	ORC2	chr2:201774893-201828424	3.2235	3.18856	-0.0157231	0.991515
XLOC_017416	PCYOX1L	chr5:148737569-148749221	5.46467	5.40549	-0.01571	0.991515
XLOC_001246	UTS2	chr1:7907671-7913551	4.7799	4.72884	-0.015492	0.994116
XLOC_012258	DOK1	chr2:74753774-74784678	20.0144	19.801	-0.0154681	0.997314
XLOC_012141	NDUFAF7	chr2:37458773-37476303	7.72765	7.64594	-0.0153347	0.991446
XLOC_005328	PLBD1	chr12:14656596-14720791	15.4079	15.2454	-0.0152922	0.990711
XLOC_022036	TRAM1	chr8:71485452-71520694	41.6913	41.252	-0.0152813	0.990491
XLOC_009793	LRRRC37A4P	chr17:43583248-43597889	1.12767	1.11585	-0.0151955	0.992823
XLOC_004682	LEPREL2	chr12:6937571-6949018	18.6362	18.4441	-0.0149514	0.991167
XLOC_012820	PTRHD1	chr2:25013135-25142055	51.7665	51.233	-0.0149463	0.995437
XLOC_010803	APLP1	chr19:36359400-36370699	14.8998	14.7467	-0.0149006	0.991515
XLOC_001369	PAQR7	chr1:26187974-26197744	16.7011	16.5296	-0.0148958	0.991167
XLOC_012726	COPS8	chr2:237994083-238007489	31.4004	31.0786	-0.0148576	0.991167
XLOC_020567	MDH2	chr7:75677392-75695930	337.283	333.83	-0.014847	0.991167
XLOC_018015	GNB2L1	chr5:180663927-180670906	3347.56	3313.34	-0.0148265	0.991637
XLOC_009369	ABR	chr17:906757-1090616	18.8211	18.6299	-0.0147353	0.991324
XLOC_004933	HSD17B6	chr12:57157107-57181574	0.569476	0.563691	-0.0147292	0.995387
XLOC_023379	MAGIX	chrX:49019180-49023836	1.08394	1.07298	-0.0146567	0.994734
XLOC_005016	C12orf29	chr12:88429267-88535993	4.42489	4.38022	-0.0146372	0.994116
XLOC_022066	C8orf59	chr8:86089618-86132643	151.872	150.342	-0.0146083	0.991515
XLOC_015295	PARP14	chr3:122399671-122449687	2.86094	2.83214	-0.014598	0.991175
XLOC_014829	DNAL4	chr22:39174512-39190161	11.7022	11.5845	-0.0145895	0.992304
XLOC_016893	PITX2	chr4:111538579-111563279	8.26987	8.18807	-0.0143415	0.993157
XLOC_002149	RAB7L1	chr1:205737113-205744610	8.52109	8.43687	-0.0143301	0.991515

XLOC_023919	SNX12	chrX:70279096-70293276	15.9566	15.7993	-0.0142928	0.991324
XLOC_014991	CMC1	chr3:28283123-28361263	46.955	46.4924	-0.0142834	0.991776
XLOC_007344	ARNT2	chr15:80696691-80890277	1.83918	1.82117	-0.0141904	0.993157
XLOC_022501	AKAP2,PALM2,PA	chr9:112403067-112934791	6.24411	6.18309	-0.0141674	0.991167
XLOC_007233	CCNB2	chr15:59397283-59417244	42.9042	42.4856	-0.0141477	0.991402
XLOC_007793	LYSMD4	chr15:100267611-100273626	2.87384	2.84622	-0.0139317	0.993173
XLOC_012395	WASH2P	chr2:114341229-114361294	8.71789	8.63441	-0.0138814	0.99309
XLOC_005889	RB1	chr13:48877882-49056026	5.10594	5.05718	-0.0138425	0.992194
XLOC_016168	CTBP1-AS1	chr4:1243227-1246795	3.45287	3.42003	-0.013787	0.993595
XLOC_008628	ENKD1	chr16:67696849-67700628	2.09472	2.07506	-0.0136076	0.994793
XLOC_015465	ATP11B	chr3:182511290-182639421	3.8046	3.7691	-0.0135225	0.992304
XLOC_022977	LOC441461	chr9:102648599-102668883	2.08464	2.06533	-0.0134236	0.995202
XLOC_004407	LIPT2	chr11:74202922-74204755	1.27527	1.26347	-0.0134176	0.994734
XLOC_002832	FAM188A	chr10:15820174-15902519	11.1705	11.0678	-0.0133253	0.992304
XLOC_008323	CCDC78	chr16:771141-776473	4.19706	4.15849	-0.0133206	0.996942
XLOC_010312	SS18	chr18:23596216-23670611	13.9339	13.8062	-0.0132818	0.992012
XLOC_015972	PIK3CB	chr3:138371539-138478201	2.60088	2.57728	-0.0131493	0.992882
XLOC_011196	EPN1	chr19:56186560-56207133	91.4327	90.6068	-0.0130908	0.992304
XLOC_005408	VDR	chr12:48235319-48298814	1.46307	1.44999	-0.0129637	0.994204
XLOC_022801	RPP25L	chr9:34610481-34612110	85.2778	84.5157	-0.0129505	0.992298
XLOC_008384	ZSCAN32	chr16:3432084-3451025	4.94631	4.90216	-0.0129333	0.993157
XLOC_001756	LOC100286793	chr1:143718512-143744587	0.657395	0.651632	-0.0127037	0.994734
XLOC_006028	EFHA1	chr13:22066827-22178355	12.9499	12.8368	-0.012651	0.992304
XLOC_010615	RNASEH2A	chr19:12917427-12924462	58.9468	58.4322	-0.0126496	0.992882
XLOC_009477	C17orf59	chr17:8091650-8093564	13.7399	13.6208	-0.0125613	0.994058
XLOC_005911	HNRNPA1L2	chr13:53191604-53217919	9.1337	9.05464	-0.0125414	0.992312
XLOC_012098	CAD	chr2:27440257-27466654	13.3082	13.1931	-0.0125315	0.992304
XLOC_010578	ATG4D	chr19:10654646-10676702	19.1767	19.0119	-0.0124579	0.994734
XLOC_022234	SHARPIN	chr8:145153535-145159140	87.851	87.098	-0.0124189	0.992537
XLOC_015157	PDE12	chr3:57541980-57547768	9.21032	9.13185	-0.0123435	0.992823
XLOC_009750	CCR10	chr17:40831419-40833845	24.563	24.3562	-0.0121975	0.994068
XLOC_007222	PIGB	chr15:55611132-55800432	3.1965	3.1696	-0.0121933	0.996429
XLOC_004067	LOC644656	chr11:9481102-9482245	1.72108	1.70668	-0.0121145	0.997371
XLOC_020349	FOXK1	chr7:4721929-4811074	8.55969	8.48816	-0.0121069	0.992806
XLOC_022975	ANKS6	chr9:101494290-101558794	9.23918	9.16297	-0.0119491	0.992304
XLOC_011969	TMEM238	chr19:55890611-55895627	21.9838	21.8035	-0.0118793	0.994734
XLOC_004690	ATN1	chr12:7033625-7051484	37.813	37.5039	-0.0118428	0.992312
XLOC_016541	MND1	chr4:154265800-154336247	32.8456	32.5799	-0.0117174	0.993157
XLOC_017592	CDH12	chr5:21750972-22853731	0.0422513	0.0419104	-0.0116878	1
XLOC_021302	MGC27345	chr7:127937737-127947816	1.92566	1.91034	-0.0115241	0.993157
XLOC_013075	RNF149	chr2:101892062-101925178	17.0973	16.9621	-0.0114549	0.993578
XLOC_000369	RAD54L	chr1:46713366-46769038	7.70719	7.64641	-0.011424	0.996186
XLOC_012871	CEBPZ	chr2:37423634-37458740	8.02844	7.96537	-0.011378	0.994593
XLOC_017279	HSD17B4	chr5:118788137-118878030	11.3541	11.2652	-0.0113386	0.993157
XLOC_021128	SRCRB4D	chr7:76018645-76017388	0.752711	0.746841	-0.0112932	0.998382
XLOC_015276	POGLUT1	chr3:119187784-119213554	3.25156	3.22621	-0.0112931	0.994116
XLOC_016472	LARP7	chr4:113460488-113578748	8.31053	8.2461	-0.0112291	0.994116
XLOC_012501	KLHL23,PHOSPH	chr2:170550963-170608396	6.36084	6.31163	-0.0112049	0.994159
XLOC_001221	LOC115110	chr1:2481358-2484284	0.922038	0.914941	-0.0111489	0.997552

XLOC_018348	PAQR8	chr6:52226925-52272575	1.87247	1.85814	-0.0110892	0.994279
XLOC_003340	ARNTL	chr11:13299324-13408812	3.71821	3.68983	-0.0110541	0.994204
XLOC_008702	KIAA1609	chr16:84509965-84538288	5.68448	5.64109	-0.0110531	0.994058
XLOC_023167	INPP5E	chr9:139323066-139334256	21.9765	21.8091	-0.0110263	0.994067
XLOC_022140	NUDCD1	chr8:110253147-110346350	20.9412	20.782	-0.0110129	0.992882
XLOC_008060	RNF40	chr16:30759619-30787628	15.5641	15.4469	-0.0109013	0.994313
XLOC_015407	P2RY1	chr3:152552735-152555843	0.0786713	0.0780817	-0.010853	1
XLOC_008696	MPHOSPH6	chr16:82181766-82203829	21.3054	21.1459	-0.0108386	0.994068
XLOC_023558	NXT2	chrX:108779009-108787927	1.95112	1.93655	-0.0108124	0.994734
XLOC_000268	ZSCAN20	chr1:33938231-33961995	0.360518	0.357827	-0.0108084	1
XLOC_000343	B4GALT2	chr1:44444873-44456843	43.5203	43.1976	-0.0107376	0.994058
XLOC_001625	SSX2IP	chr1:85109389-85156240	3.13097	3.10776	-0.0107359	0.994116
XLOC_006520	GSKIP	chr14:96829788-96853627	5.0728	5.03567	-0.0105966	0.994279
XLOC_016170	UVSSA	chr4:1341103-1381837	1.18301	1.17438	-0.0105595	0.994734
XLOC_009007	MRM1	chr17:34958024-34965407	9.16463	9.09788	-0.0105462	0.994279
XLOC_004270	BSCL2,HNRNPUL	chr11:62457733-62494857	28.7145	28.5063	-0.0104982	0.994593
XLOC_009175	NME1,NME1-NME	chr17:49230896-49249105	1792.18	1779.2	-0.0104886	0.994068
XLOC_020991	SCRN1	chr7:29959718-30029905	0.0194972	0.0193561	-0.0104812	1
XLOC_009972	GALK1	chr17:73754017-73761280	49.9172	49.5581	-0.010416	0.994068
XLOC_022123	YWHAZ	chr8:101930803-101965623	237.105	235.4	-0.0104122	0.994158
XLOC_022233	OPLAH	chr8:145106166-145115584	43.4191	43.1087	-0.0103508	0.993923
XLOC_014497	NF2	chr22:29999544-30094589	7.65612	7.60217	-0.010203	0.994102
XLOC_018308	PTK7	chr6:43044005-43129458	27.7949	27.599	-0.0102028	0.994068
XLOC_020954	SP8	chr7:20821893-20826508	0.322755	0.320496	-0.0101333	1
XLOC_011511	CHERP	chr19:16607204-16653263	19.8918	19.7527	-0.0101241	0.994204
XLOC_017926	CLINT1	chr5:157212750-157286183	8.43041	8.37149	-0.0101194	0.994116
XLOC_011737	ZNF45	chr19:44416775-44439411	1.84207	1.82924	-0.0100826	0.994593
XLOC_007143	KNSTRN	chr15:40674921-40686489	21.4821	21.3331	-0.0100412	0.994068
XLOC_009371	YWHAE	chr17:1247833-1303556	367.804	365.256	-0.0100298	0.994116
XLOC_008416	DEXI	chr16:11022747-11036257	30.241	30.0318	-0.0100167	0.994204
XLOC_013457	ANKMY1	chr2:241418838-241497405	1.49789	1.48754	-0.0100039	0.994953
XLOC_010057	CSNK1D	chr17:80200536-80231594	41.4218	41.137	-0.00995481	0.994068
XLOC_003581	STIP1	chr11:63953586-63972020	136.912	135.971	-0.0099546	0.994068
XLOC_022478	INVS	chr9:102861501-103063426	4.7188	4.68644	-0.00992837	0.994204
XLOC_000857	POU2F1	chr1:167190065-167396582	0.880895	0.874904	-0.00984633	0.994593
XLOC_021122	HIP1	chr7:75162618-75368283	3.7067	3.68153	-0.00983088	0.994116
XLOC_016869	SLC39A8	chr4:103172197-103266655	10.0869	10.0185	-0.00981798	0.994204
XLOC_013794	PRPF6	chr20:62612430-62664453	31.0671	30.8564	-0.00981534	0.994068
XLOC_021411	PAXIP1	chr7:154720226-154794682	5.28371	5.24815	-0.00974034	0.994204
XLOC_009784	KIF18B	chr17:43002078-43025079	8.90432	8.84456	-0.00971566	0.994313
XLOC_005729	VSIG10	chr12:118501397-118541810	3.79656	3.77118	-0.00967692	0.994212
XLOC_002497	TSPAN15	chr10:71211225-71267423	5.58076	5.54349	-0.00966735	0.994734
XLOC_001921	ARHGEF11	chr1:156904631-157015162	2.84084	2.82192	-0.00963763	0.994593
XLOC_002630	MARVELD1	chr10:99473464-99477909	16.1903	16.0826	-0.00962613	0.994116
XLOC_022943	C9orf129	chr9:95947211-96108696	2.03656	2.02309	-0.00957205	0.998593
XLOC_023612	RBMX2	chrX:129535942-129547317	19.209	19.0826	-0.00952342	0.994204
XLOC_003791	DYNC2H1	chr11:102980159-103350591	1.0358	1.02901	-0.00948157	0.994204
XLOC_018024	LOC100508120	chr6:2245986-2413825	0.499944	0.496689	-0.00942256	0.994734
XLOC_008194	ZFP90	chr16:68573660-68601039	3.15177	3.13146	-0.00932555	0.994313

XLOC_023986	BEX5	chrX:101408678-101410986	11.6278	11.5537	-0.00922199	0.994734
XLOC_021735	WDYHV1	chr8:124428964-124454260	12.2251	12.1476	-0.00916665	0.994582
XLOC_014559	CBY1	chr22:39052657-39069855	31.3736	31.1756	-0.00913547	0.994159
XLOC_001084	SNAP47	chr1:227916239-227968932	17.8696	17.7581	-0.00902789	0.995808
XLOC_014664	ATP6V1E1	chr22:18074902-18111588	53.0618	52.7313	-0.00901226	0.994204
XLOC_002479	REEP3	chr10:65281122-65384883	3.57911	3.55692	-0.00897307	0.994507
XLOC_005107	ADAM1A	chr12:112336866-112339706	0.590743	0.5872	-0.00867956	0.997773
XLOC_003630	CCDC85B	chr11:65657874-65659106	281.411	279.737	-0.00860866	0.994204
XLOC_001555	LRP8	chr1:53692563-53793821	2.5903	2.57532	-0.00836679	0.997479
XLOC_022960	AAED1	chr9:99403532-99417599	28.6388	28.4739	-0.00832732	0.994582
XLOC_024034	NKRF	chrX:118722299-118739846	4.84609	4.81859	-0.00821086	0.994734
XLOC_010851	SUPT5H	chr19:39936185-39967308	33.2562	33.0712	-0.00804898	0.994507
XLOC_020498	SUMF2	chr7:56131916-56160689	69.6851	69.3037	-0.00791742	0.995202
XLOC_015978	COPB2	chr3:139076432-139108522	22.8296	22.7048	-0.00791384	0.994593
XLOC_001393	DNAJC8	chr1:28526789-28559542	84.5458	84.0844	-0.00789515	0.994593
XLOC_012472	ARL6IP6	chr2:153574406-153617767	4.84262	4.81621	-0.00788839	0.994734
XLOC_021813	RPL23AP53	chr8:158344-197339	1.64984	1.64088	-0.00785579	0.995546
XLOC_009180	STXBP4	chr17:53046125-53241449	0.246511	0.245184	-0.00779141	1
XLOC_001993	FAM78B	chr1:166039255-166135958	3.28783	3.27037	-0.00768215	0.996035
XLOC_011335	PLIN3	chr19:4838345-4867780	70.0831	69.7125	-0.00764792	0.994593
XLOC_011032	PRR12	chr19:50094911-50129696	4.9949	4.96872	-0.00758114	0.994734
XLOC_022618	NUP214	chr9:134000980-134109091	7.79034	7.74968	-0.00754823	0.994734
XLOC_015375	RNF7	chr3:141457050-141465645	54.0524	53.7721	-0.00750088	0.994734
XLOC_000126	SPEN	chr1:16160709-16266950	3.09469	3.07898	-0.0073389	0.99481
XLOC_013328	METTTL21A	chr2:208473838-208489973	8.38345	8.34092	-0.00733783	0.994734
XLOC_014330	HMGNI	chr21:40714240-40721047	207.99	206.947	-0.00725618	0.994734
XLOC_004951	LOC100130776	chr12:58118075-58135944	69.3867	69.04	-0.00722586	0.994734
XLOC_012110	MRPL33	chr2:27994583-28002608	119.616	119.02	-0.00721518	0.994953
XLOC_021806	LRR14	chr8:145743348-145754458	9.43211	9.38625	-0.00703055	0.997552
XLOC_012875	ATL2	chr2:38522028-38604432	11.0671	11.0134	-0.00701536	0.994734
XLOC_015789	PDHB	chr3:58413356-58419579	28.5543	28.4159	-0.00700956	0.994734
XLOC_021298	ZNF800	chr7:127010353-127032767	2.8569	2.84308	-0.00699747	0.996035
XLOC_007446	LOC646214	chr15:21932513-21940739	0.212382	0.211361	-0.00695126	1
XLOC_014579	SGSM3	chr22:40766594-41032690	15.4831	15.4087	-0.00694673	0.995202
XLOC_015900	IQCB1	chr3:121488609-121553926	13.6966	13.6312	-0.00690962	0.994734
XLOC_007204	EID1	chr15:49115933-49255641	25.4071	25.2858	-0.00690223	0.994734
XLOC_002760	MGMT	chr10:131265453-131565783	76.5394	76.1762	-0.00686191	0.994734
XLOC_021029	COA1	chr7:43670750-43769140	47.22	46.9975	-0.00681399	0.995202
XLOC_004586	HSPA8	chr11:122928199-122932901	659.692	656.586	-0.00680855	0.994734
XLOC_017864	FCHSD1	chr5:141016516-141030986	11.4832	11.4295	-0.00676771	0.995209
XLOC_014168	DYRK1A	chr21:38739858-38887679	4.88571	4.86287	-0.0067603	0.995209
XLOC_001466	FHL3	chr1:38462441-38471187	37.5261	37.3529	-0.0066753	0.995209
XLOC_010702	UBA52	chr19:18682613-18688270	393.843	392.044	-0.00660481	0.995202
XLOC_004873	PRR13	chr12:53835432-53840427	88.0318	87.6305	-0.00659268	0.994734
XLOC_009095	DHX8	chr17:41561333-41601680	6.28879	6.26021	-0.00657099	0.995019
XLOC_011807	KDEL1	chr19:48885826-48894810	277.617	276.364	-0.00652811	0.995188
XLOC_004637	THYN1	chr11:134118172-134123260	55.6236	55.3739	-0.00649047	0.995395
XLOC_003228	TMEM80	chr11:644224-705028	12.5527	12.4967	-0.00645007	0.998382
XLOC_010001	TK1	chr17:76170159-76183285	94.3237	93.9043	-0.00642912	0.995202

XLOC_005373	FAM60A	chr12:31433519-31479159	31.5045	31.3647	-0.00641212	0.994818
XLOC_010589	SMARCA4	chr19:11071597-11172958	34.2405	34.0895	-0.00637922	0.995019
XLOC_009584	FLOT2	chr17:27206356-27224715	37.1189	36.9566	-0.00632143	0.994953
XLOC_007374	ZSCAN2	chr15:85144248-85166947	5.7339	5.7092	-0.00622861	0.997552
XLOC_013025	CHMP3,RNF103,F	chr2:86730552-87005164	22.6983	22.6009	-0.00620287	0.997191
XLOC_006641	EIF5	chr14:103800338-103811361	22.6808	22.5852	-0.00608923	0.995197
XLOC_016158	ZNF595,ZNF718	chr4:53226-156490	0.45755	0.455624	-0.00608635	0.997371
XLOC_022243	VPS28	chr8:145648999-145653927	334.003	332.599	-0.00607785	0.995656
XLOC_021739	RNF139	chr8:125487007-125551329	17.8147	17.7407	-0.00600698	0.997576
XLOC_008184	THAP11	chr16:67862059-67905219	23.8391	23.7409	-0.00595863	0.998572
XLOC_008864	COX10	chr17:13932608-14111996	8.09777	8.06442	-0.00595277	0.996244
XLOC_001426	SYNC	chr1:33116748-33168361	26.2912	26.183	-0.00594911	0.997371
XLOC_014174	WRB	chr21:40752212-40769815	17.9455	17.8717	-0.00594037	0.995783
XLOC_010582	QTRT1	chr19:10812111-10824043	52.1214	51.9095	-0.00587864	0.995437
XLOC_023178	KIAA1984-AS1	chr9:139690789-139735639	0.709761	0.706899	-0.00582919	0.998382
XLOC_013985	KCNS1	chr20:43720949-43729753	0.0100335	0.00999371	-0.00573513	1
XLOC_010972	GLTSCR1	chr19:48111452-48206534	2.24241	2.23358	-0.00568957	0.997371
XLOC_012585	CFLAR	chr2:201980876-202037411	3.79873	3.78393	-0.00563301	0.998382
XLOC_010293	PTPN2	chr18:12785476-12884334	19.4115	19.3362	-0.00561089	0.996244
XLOC_003866	RNF26	chr11:119205209-119208024	22.3478	22.2624	-0.00551871	0.996035
XLOC_020933	ICA1	chr7:8152814-8302242	3.5137	3.50035	-0.00549121	0.997552
XLOC_017154	PPWD1	chr5:64859062-64883376	9.21096	9.17721	-0.00529574	0.997032
XLOC_000542	AMY2B,RNPC3	chr1:104068577-104122149	3.25568	3.24387	-0.00524496	0.997552
XLOC_012012	ZBTB45	chr19:59024896-59030921	12.384	12.3397	-0.00516618	0.997552
XLOC_007967	ITPR1L2	chr16:19125253-19132952	4.33207	4.31659	-0.00516279	0.996244
XLOC_000202	CEP85	chr1:26560692-26605299	5.14796	5.12971	-0.00512188	0.996965
XLOC_009901	CCDC47	chr17:61822609-61851088	20.5522	20.4793	-0.00512179	0.996965
XLOC_018830	TEAD3	chr6:35441373-35464861	11.4038	11.3635	-0.00510267	0.997314
XLOC_014684	TRMT2A	chr22:20067754-20104818	15.5193	15.4647	-0.00508611	0.997552
XLOC_018609	EXOC2	chr6:485137-693141	3.53811	3.52567	-0.00507994	0.997191
XLOC_000194	SEPN1	chr1:26126666-26144713	72.2706	72.0166	-0.00507944	0.996765
XLOC_007715	TBC1D2B	chr15:78287326-78369994	3.2678	3.25633	-0.00507258	0.997371
XLOC_017124	PARP8	chr5:49961732-50142356	2.30343	2.29535	-0.00506819	0.997314
XLOC_001042	TATDN3	chr1:212965169-212990167	4.77445	4.75779	-0.00504474	0.997552
XLOC_022779	DDX58	chr9:32455299-32526322	0.506816	0.505069	-0.00498039	0.998382
XLOC_017999	C5orf45	chr5:179224597-179285840	45.7958	45.6389	-0.00495117	0.999234
XLOC_000526	SNX7	chr1:99127235-99226056	11.1992	11.1609	-0.00493996	0.997479
XLOC_013316	ICA1L	chr2:203637872-203736371	0.406124	0.404765	-0.004835	0.998382
XLOC_016040	B3GALNT1	chr3:160801670-160823160	6.08099	6.06096	-0.00475893	0.997191
XLOC_022698	EHMT1	chr9:140513443-140730578	10.8676	10.832	-0.00473708	0.997547
XLOC_016619	ZNF721	chr4:419223-533320	3.74151	3.72932	-0.00470833	0.998382
XLOC_015639	CSRNP1	chr3:39183341-39195102	8.37025	8.34346	-0.00462578	0.997552
XLOC_000757	MTX1	chr1:155178489-155197325	47.1298	46.9821	-0.00452813	0.997479
XLOC_001728	TRIM33	chr1:114935398-115053781	2.82134	2.8126	-0.00447703	0.997659
XLOC_020352	RBAK,RBAK-LOC	chr7:5085451-5112854	32.5164	32.4156	-0.00447607	0.998609
XLOC_021727	NOV	chr8:120428551-120436678	4.10714	4.09457	-0.00442282	0.997773
XLOC_013138	POLR2D	chr2:128603839-128615729	12.0551	12.019	-0.00432215	0.997552
XLOC_000730	CHTOP	chr1:153591275-153618782	57.4951	57.3232	-0.00431952	0.99855
XLOC_006109	ZC3H13	chr13:46536313-46626894	0.982529	0.979608	-0.00429521	0.997576

XLOC_002401	ZEB1	chr10:31608100-31818742	3.97778	3.96599	-0.00428185	0.997371
XLOC_012049	HPCAL1	chr2:10443029-10567743	47.7762	47.6364	-0.00422771	0.997314
XLOC_018655	NUP153	chr6:17615268-17706818	6.13022	6.11254	-0.00416704	0.997552
XLOC_021981	RNF170	chr8:42704779-42751866	5.43671	5.42111	-0.00414543	0.997552
XLOC_009418	CXCL16	chr17:4634722-4643223	42.5971	42.4749	-0.00414479	0.997773
XLOC_005885	LRCH1	chr13:47127295-47327175	2.58624	2.579	-0.00404059	0.997773
XLOC_014226	YBEY	chr21:47706266-47717665	20.7552	20.6992	-0.00390145	0.997667
XLOC_003560	ROM1	chr11:62369690-62382592	2.18941	2.18354	-0.00387015	0.999234
XLOC_022046	UBE2W	chr8:74692331-74791145	4.7367	4.72408	-0.00384982	0.997897
XLOC_022653	PPP1R26	chr9:138371647-138380739	16.5594	16.5155	-0.00382592	0.997552
XLOC_003631	DRAP1	chr11:65686727-65689048	467.934	466.702	-0.00380556	0.997552
XLOC_011210	ZNF71	chr19:57106663-57135544	4.31259	4.30133	-0.00377389	0.998382
XLOC_014721	GSTT2	chr22:24299600-24303393	1.0094	1.00678	-0.00375947	0.994734
XLOC_010928	PVRL2	chr19:45349392-45392485	41.2364	41.1299	-0.00373117	0.997584
XLOC_000888	PRDX6	chr1:173446485-173457946	286.714	285.974	-0.00372395	0.997913
XLOC_015026	WDR48	chr3:39093506-39137881	5.48116	5.46715	-0.00369211	0.997773
XLOC_009224	DCAF7	chr17:61627795-61671642	27.5814	27.5115	-0.00365951	0.998382
XLOC_006848	PPP2R5E	chr14:63841354-64010079	4.18723	4.17696	-0.00353998	0.998124
XLOC_011425	ILF3-AS1	chr19:10762537-10764548	5.88791	5.87381	-0.00345996	0.998382
XLOC_018389	TTK	chr6:80714321-80752244	5.08828	5.0762	-0.00343011	0.998382
XLOC_014018	ZNFX1	chr20:47862438-47905795	2.38031	2.3747	-0.00340915	0.999234
XLOC_017377	PCDHB16	chr5:140560979-140565796	1.0102	1.00785	-0.00337053	0.999201
XLOC_005771	SBNO1	chr12:123773655-123834988	3.25906	3.25146	-0.00336865	0.997576
XLOC_021622	MCMDC2	chr8:67782983-67837777	0.195862	0.195406	-0.00336808	1
XLOC_000233	TRNAU1AP	chr1:28879528-28908366	13.507	13.4757	-0.00334018	0.998593
XLOC_015107	APEH	chr3:49711434-49720934	98.9205	98.6999	-0.00322052	0.997781
XLOC_014842	SLC25A17	chr22:41165638-41215392	12.5933	12.5661	-0.00311672	0.998382
XLOC_023023	HDHD3	chr9:116135697-116138341	29.4267	29.3643	-0.00306393	0.998272
XLOC_013283	STAT1	chr2:191833761-191878976	6.49344	6.48038	-0.00290526	0.998382
XLOC_004671	LTBR	chr12:6456008-6500737	37.151	37.0768	-0.00288469	0.998382
XLOC_012397	ACTR3	chr2:114647536-114716167	39.7863	39.7075	-0.0028596	0.998382
XLOC_021063	COBL	chr7:51083908-51384515	3.98764	3.97984	-0.00282432	0.998382
XLOC_010252	FLJ44313	chr18:74207476-74210045	0.527976	0.526946	-0.0028178	0.996446
XLOC_010430	C19orf21	chr19:751145-764318	0.391106	0.390347	-0.00280135	0.994734
XLOC_015633	ACAA1	chr3:38080695-38178733	36.9108	36.8422	-0.00268461	0.998382
XLOC_002076	TRMT1L	chr1:185087217-185260913	3.47921	3.47279	-0.0026622	0.998734
XLOC_010516	NRTN	chr19:5823817-5828335	8.92038	8.90397	-0.00265573	0.998382
XLOC_016157	ANKRD18DP	chr3:197784403-197807542	0.126656	0.12643	-0.00257928	1
XLOC_007694	RPP25	chr15:75247442-75249775	61.2847	61.1796	-0.00247511	0.998382
XLOC_009614	RAD51D,RFFL	chr17:33336130-33448541	12.7384	12.7171	-0.002418	0.999032
XLOC_006494	RIN3	chr14:92980124-93155334	10.8792	10.8611	-0.00241327	0.998593
XLOC_006949	DDX24	chr14:94517267-94547558	35.9108	35.8516	-0.00237958	0.998593
XLOC_015608	NKIRAS1	chr3:23933571-23965187	4.24821	4.24124	-0.00237198	0.999274
XLOC_016156	IQCG	chr3:197615945-197686886	10.4294	10.4125	-0.00234129	0.998593
XLOC_012191	VRK2	chr2:58273776-58468515	3.07684	3.07207	-0.00223879	0.999234
XLOC_018117	ABT1	chr6:26597170-26600277	24.0764	24.0393	-0.00222561	0.998593
XLOC_017019	RWDD4	chr4:184560788-184580331	9.68018	9.66533	-0.00221617	0.998617
XLOC_008270	COX4I1	chr16:85833172-85840607	605.479	604.557	-0.0021976	0.998842
XLOC_017572	FASTKD3	chr5:7859271-7869150	9.4055	9.39139	-0.00216546	0.998726

XLOC_000422	NFIA	chr1:61542945-61928460	1.21327	1.21152	-0.00208005	0.999201
XLOC_015389	GYG1	chr3:148709194-148745456	33.1816	33.1342	-0.00206317	0.999032
XLOC_010627	ZSWIM4	chr19:13906273-13943044	5.9786	5.97074	-0.00189816	0.999032
XLOC_012562	INPP1	chr2:191208195-191236391	10.4775	10.4638	-0.00189446	0.999234
XLOC_018447	RPF2	chr6:111303290-111346794	50.3449	50.2798	-0.00186748	0.999187
XLOC_016054	LRRC34	chr3:169511215-169530574	1.69034	1.68818	-0.00184263	0.999234
XLOC_020981	HOXA10,HOXA9	chr7:27202056-27219880	29.2482	29.2126	-0.00175591	0.999201
XLOC_000781	RRNAD1	chr1:156698262-156706752	14.4799	14.4623	-0.00175467	0.999201
XLOC_004247	DDB1	chr11:61066918-61136975	65.2299	65.1531	-0.00169997	0.999215
XLOC_014373	PTTG1IP	chr21:46269499-46293818	81.0004	80.907	-0.00166571	0.99913
XLOC_017658	DHX29	chr5:54552072-54603521	3.48225	3.47853	-0.00153948	0.999215
XLOC_006834	TIMM9	chr14:58862643-59015549	44.1756	44.1288	-0.00152834	0.999234
XLOC_003409	API5	chr11:43333504-43366080	26.0157	25.9889	-0.00148371	0.999234
XLOC_023157	UBAC1	chr9:138824814-138853226	38.7852	38.7454	-0.00148154	0.999215
XLOC_003223	PTDSS2	chr11:450279-491387	48.1679	48.1186	-0.00147752	0.999215
XLOC_004771	CMAS	chr12:22199109-22218606	17.7672	17.7497	-0.00142873	0.999234
XLOC_005118	TPCN1	chr12:113659259-113736389	5.43875	5.43453	-0.00112234	0.999234
XLOC_007404	CRTC3	chr15:91073117-91188577	6.0736	6.06905	-0.00108112	0.999234
XLOC_013623	PROCR	chr20:33759773-33765165	165.867	165.746	-0.00105349	0.999234
XLOC_009663	MED1	chr17:37560537-37607527	4.67787	4.67456	-0.00102126	0.999234
XLOC_017014	DCTD	chr4:183811243-183838630	63.0814	63.0394	-0.000961205	0.999234
XLOC_007225	TCF12	chr15:57210832-57580714	8.1413	8.13601	-0.000936232	0.999234
XLOC_022591	SPTAN1	chr9:131314836-131419129	32.1767	32.1564	-0.000908377	0.999234
XLOC_002867	SVIL	chr10:29746276-30024730	1.49115	1.49028	-0.000845234	0.999234
XLOC_009771	HDAC5	chr17:42154120-42201014	15.1495	15.1406	-0.000844314	0.999234
XLOC_011805	CCDC114	chr19:48799708-48823332	0.0674232	0.0673838	-0.000844105	1
XLOC_008630	RANBP10	chr16:67757004-67840555	5.09231	5.08939	-0.000827524	0.999234
XLOC_004415	GDPD5	chr11:75145684-75236599	7.73189	7.72765	-0.000791293	0.999234
XLOC_003380	ARL14EP	chr11:30344648-30359165	5.63318	5.63021	-0.000761411	0.999234
XLOC_016868	PPP3CA	chr4:101944586-102268628	2.09396	2.09303	-0.000640969	0.999274
XLOC_008304	TCF25	chr16:89939993-89977792	94.4783	94.4421	-0.000553315	0.999234
XLOC_012841	GTF3C2	chr2:27548715-27579901	11.6538	11.6494	-0.000537249	0.999234
XLOC_006345	ARF6	chr14:50359735-50363772	19.127	19.1222	-0.000368503	0.999234
XLOC_000164	CDC42	chr1:22379119-22419436	77.4667	77.4477	-0.000354557	0.999404
XLOC_005252	SPSB2	chr12:6976583-6982521	9.10359	9.10144	-0.000340906	0.999818
XLOC_003707	MRPL48	chr11:73498916-73575656	23.0958	23.0905	-0.000329603	0.999234
XLOC_017349	PAIP2	chr5:138677518-138719039	47.8981	47.8907	-0.000224812	0.99971
XLOC_000196	EXTL1	chr1:26348270-26362954	0.038153	0.0381479	-0.000192781	1
XLOC_006993	AKT1	chr14:105235686-105262080	67.4175	67.4093	-0.000176511	0.999404
XLOC_015447	FNDC3B	chr3:171757417-172118492	1.69845	1.69826	-0.000163374	0.99971
XLOC_007291	NEO1	chr15:73344824-73597547	5.59947	5.59893	-0.000140579	0.99971
XLOC_017898	RBM22	chr5:150070351-150080669	21.3924	21.3908	-0.00010364	0.999404
XLOC_004684	USP5	chr12:6961284-6975795	30.4454	30.4436	-8.62E-05	0.999826
XLOC_015611	MIR4792	chr3:24562852-24562926	0	0	0	1
XLOC_018983	SNORD50A	chr6:86386724-86388451	0	0	0	1
XLOC_020497	SNORA15	chr7:56119377-56131682	0	0	0	1
XLOC_006699	SNORD9	chr14:21853352-21905457	0	0	0	1
XLOC_006696	HNRNPC	chr14:21677295-21737638	163.913	153.16	0	1
XLOC_000002	OR4F5	chr1:69090-70008	0	0	0	1

XLOC_000004	OR4F3	chr1:367658-368597	0	0	0	1
XLOC_000011	LOC254099	chr1:1072396-1079434	0	0	0	1
XLOC_000012	MIR200B	chr1:1102483-1102578	0	0	0	1
XLOC_000013	MIR200A	chr1:1103242-1103332	0	0	0	1
XLOC_000014	MIR429	chr1:1104384-1104467	0	0	0	1
XLOC_000015	TLL10	chr1:1109285-1133313	0	0	0	1
XLOC_000022	TMEM88B	chr1:1361507-1363167	0	0	0	1
XLOC_000029	MMP23A	chr1:1571099-1655791	0	0	0	1
XLOC_000031	GABRD	chr1:1950767-1962192	0	0	0	1
XLOC_000038	ACTRT2	chr1:2938045-2939467	0	0	0	1
XLOC_000040	MIR4251	chr1:2985741-3355185	0	0	0	1
XLOC_000044	CCDC27	chr1:3668964-3688209	0	0	0	1
XLOC_000048	LOC728716	chr1:4000671-4012643	0	0	0	1
XLOC_000049	LOC284661	chr1:4472110-4484744	0	0	0	1
XLOC_000050	AJAP1	chr1:4715104-4843851	0	0	0	1
XLOC_000051	MIR4417	chr1:5624130-5624203	0	0	0	1
XLOC_000054	HES3	chr1:6304251-6305638	0	0	0	1
XLOC_000073	RBP7	chr1:10057254-10076078	0	0	0	1
XLOC_000080	MTOR-AS1	chr1:11166587-11322608	0	0	0	1
XLOC_000081	ANGPTL7	chr1:11166587-11322608	0	0	0	1
XLOC_000083	PTCHD2	chr1:11539294-11597640	0	0	0	1
XLOC_000086	DRAXIN	chr1:11751780-11780336	0	0	0	1
XLOC_000095	SNORA59A	chr1:12290112-12572098	0	0	0	1
XLOC_000096	AADACL4	chr1:12704565-12727097	0	0	0	1
XLOC_000097	AADACL3	chr1:12776117-12788726	0	0	0	1
XLOC_000098	C1orf158	chr1:12806162-12821102	0	0	0	1
XLOC_000099	PRAMEF12	chr1:12834983-12838048	0	0	0	1
XLOC_000100	PRAMEF1	chr1:12851545-12856777	0	0	0	1
XLOC_000101	PRAMEF2	chr1:12916940-12921764	0	0	0	1
XLOC_000102	PRAMEF7,PRAM	chr1:12976449-12980568	0	0	0	1
XLOC_000103	PRAMEF22	chr1:13035542-13038381	0	0	0	1
XLOC_000104	PRAMEF5	chr1:13359818-13369057	0	0	0	1
XLOC_000105	PRAMEF9	chr1:13421175-13428191	0	0	0	1
XLOC_000106	PRAMEF16	chr1:13495253-13498259	0	0	0	1
XLOC_000107	PRAMEF20,PRAM	chr1:13516065-13526943	0	0	0	1
XLOC_000108	PRAMEF9	chr1:13641972-13648988	0	0	0	1
XLOC_000109	PRAMEF17	chr1:13716087-13719064	0	0	0	1
XLOC_000110	PRAMEF20,PRAM	chr1:13736906-13747803	0	0	0	1
XLOC_000111	PDPN	chr1:13910251-13944452	0	0	0	1
XLOC_000118	CELA2A	chr1:15783222-15798586	0	0	0	1
XLOC_000119	CELA2B	chr1:15802595-15817895	0	0	0	1
XLOC_000124	TMEM82	chr1:16068986-16074292	0	0	0	1
XLOC_000129	CLCNKB	chr1:16370230-16383821	0	0	0	1
XLOC_000132	MIR3675	chr1:16875408-16875482	0	0	0	1
XLOC_000134	MIR3675	chr1:17007749-17007823	0	0	0	1
XLOC_000138	PADI4	chr1:17634689-17690495	0	0	0	1
XLOC_000139	PADI6	chr1:17698740-17728195	0	0	0	1
XLOC_000142	IGSF21	chr1:18434239-18704977	0	0	0	1
XLOC_000143	KLHDC7A	chr1:18807423-18812480	0	0	0	1

XLOC_000144	PAX7	chr1:18957499-19075360	0	0	0	1
XLOC_000148	HTR6	chr1:19991779-20006055	0	0	0	1
XLOC_000150	PLA2G5	chr1:20396700-20418394	0	0	0	1
XLOC_000151	PLA2G2F	chr1:20465822-20476879	0	0	0	1
XLOC_000152	UBXN10	chr1:20512577-20519942	0	0	0	1
XLOC_000153	VWA5B1	chr1:20617411-20681387	0	0	0	1
XLOC_000154	FAM43B	chr1:20878931-20881513	0	0	0	1
XLOC_000161	CELA3B	chr1:22303417-22315847	0	0	0	1
XLOC_000162	CELA3A	chr1:22328148-22339035	0	0	0	1
XLOC_000166	EPHA8	chr1:22890003-22930087	0	0	0	1
XLOC_000167	C1QA	chr1:22963117-22966175	0	0	0	1
XLOC_000168	C1QC	chr1:22970117-22974603	0	0	0	1
XLOC_000169	C1QB	chr1:22979681-22988029	0	0	0	1
XLOC_000171	MIR4684	chr1:23037330-23241823	0	0	0	1
XLOC_000173	MIR3115	chr1:23345940-23410184	0	0	0	1
XLOC_000180	MIR378F	chr1:24255559-24255637	0	0	0	1
XLOC_000182	LOC284632	chr1:24526729-24538180	0	0	0	1
XLOC_000186	NCMAP	chr1:24882566-24935818	0	0	0	1
XLOC_000201	CATSPER4	chr1:26517118-26529033	0	0	0	1
XLOC_000204	CD52	chr1:26608772-26647014	0	0	0	1
XLOC_000209	MIR1976	chr1:26856248-26901520	0	0	0	1
XLOC_000238	OPRD1	chr1:29138653-29190208	0	0	0	1
XLOC_000244	LOC149086	chr1:31971838-31974167	0	0	0	1
XLOC_000245	LOC284551	chr1:31984035-31989846	0	0	0	1
XLOC_000269	HMGB4	chr1:33979608-34631443	0	0	0	1
XLOC_000270	LOC402779	chr1:33979608-34631443	0	0	0	1
XLOC_000271	C1orf94	chr1:34632623-34684731	0	0	0	1
XLOC_000272	GJB5	chr1:35220647-35224113	0	0	0	1
XLOC_000273	GJB4	chr1:35225341-35229325	0	0	0	1
XLOC_000275	GJA4	chr1:35258598-35261348	0	0	0	1
XLOC_000283	TEKT2	chr1:36549675-36553876	0	0	0	1
XLOC_000288	MIR4255	chr1:37627163-37627235	0	0	0	1
XLOC_000295	MIR3659	chr1:38554902-38555001	0	0	0	1
XLOC_000313	MIR30E	chr1:41154751-41237275	0	0	0	1
XLOC_000314	MIR30C1	chr1:41154751-41237275	0	0	0	1
XLOC_000318	GUCA2B	chr1:42619091-42621495	0	0	0	1
XLOC_000331	TMEM125	chr1:43735664-43739673	0	0	0	1
XLOC_000345	KLF17	chr1:44584521-44600809	0	0	0	1
XLOC_000348	MIR5584	chr1:44870959-45117396	0	0	0	1
XLOC_000354	SNORD38A	chr1:45241245-45244412	0	0	0	1
XLOC_000355	SNORD38B	chr1:45241245-45244412	0	0	0	1
XLOC_000377	EFCAB14-AS1	chr1:47139707-47184736	0	0	0	1
XLOC_000378	CYP4B1	chr1:47264669-47285021	0	0	0	1
XLOC_000379	CYP4X1	chr1:47489239-47516423	0	0	0	1
XLOC_000380	CYP4Z1	chr1:47533159-47583992	0	0	0	1
XLOC_000381	CYP4A22	chr1:47603106-47614526	0	0	0	1
XLOC_000386	SLC5A9	chr1:48688356-48714316	0	0	0	1
XLOC_000387	ELAVL4	chr1:50513685-50667540	0	0	0	1
XLOC_000389	C1orf185	chr1:51567905-51613754	0	0	0	1

XLOC_000400	PODN	chr1:53527723-53551174	0	0	0	1
XLOC_000403	DMRTB1	chr1:53925071-53933158	0	0	0	1
XLOC_000407	MIR4781	chr1:54519273-54565416	0	0	0	1
XLOC_000411	C1orf177	chr1:55271735-55307937	0	0	0	1
XLOC_000413	BSND	chr1:55464616-55474465	0	0	0	1
XLOC_000414	PCSK9	chr1:55505148-55530526	0	0	0	1
XLOC_000416	MIR4422	chr1:55691313-55691396	0	0	0	1
XLOC_000418	C8A	chr1:57320442-57383894	0	0	0	1
XLOC_000435	UBE2U	chr1:64669489-64710027	0	0	0	1
XLOC_000437	MIR4794	chr1:64936475-65158741	0	0	0	1
XLOC_000444	MIR3117	chr1:66999824-67210768	0	0	0	1
XLOC_000445	TCTEX1D1	chr1:67218139-67244730	0	0	0	1
XLOC_000452	PIN1P1	chr1:70225857-70589171	0	0	0	1
XLOC_000460	LHX8	chr1:75594118-75627218	0	0	0	1
XLOC_000463	SNORD45C	chr1:76251878-76260775	0	0	0	1
XLOC_000465	SNORD45B	chr1:76251878-76260775	0	0	0	1
XLOC_000468	ST6GALNAC5	chr1:77333185-77529737	0	0	0	1
XLOC_000469	AK5	chr1:77747661-78025654	0	0	0	1
XLOC_000473	GIPC2	chr1:78511588-78603112	0	0	0	1
XLOC_000474	MGC27382	chr1:78695282-78835147	0	0	0	1
XLOC_000475	PTGFR	chr1:78956727-79006386	0	0	0	1
XLOC_000478	LPHN2	chr1:82266081-82458107	0	0	0	1
XLOC_000484	MIR4423	chr1:85599476-85599556	0	0	0	1
XLOC_000488	CLCA1	chr1:86934525-86965974	0	0	0	1
XLOC_000489	CLCA4	chr1:87012758-87046432	0	0	0	1
XLOC_000497	GBP1P1	chr1:89873237-89890493	0	0	0	1
XLOC_000507	C1orf146	chr1:92683572-92711367	0	0	0	1
XLOC_000511	SNORA66	chr1:93297593-93427079	0	0	0	1
XLOC_000517	MIR760	chr1:94027342-94312706	0	0	0	1
XLOC_000524	DPYD-AS1	chr1:97543299-98386615	0	0	0	1
XLOC_000525	LOC729987	chr1:98676266-98738214	0	0	0	1
XLOC_000527	LOC100129620	chr1:99355800-99614408	0	0	0	1
XLOC_000528	LPPR4	chr1:99729847-99775138	0	0	0	1
XLOC_000529	PALMD	chr1:100111430-100231349	0	0	0	1
XLOC_000535	MIR553	chr1:100731713-100758325	0	0	0	1
XLOC_000537	GPR88	chr1:101003727-101007583	0	0	0	1
XLOC_000538	VCAM1	chr1:101185195-101204601	0	0	0	1
XLOC_000540	S1PR1	chr1:101702304-101707076	0	0	0	1
XLOC_000541	DNAJA1P5	chr1:102268126-102462790	0	0	0	1
XLOC_000544	AMY2A	chr1:104159998-104168400	0	0	0	1
XLOC_000545	AMY1A	chr1:104198140-104207173	0	0	0	1
XLOC_000546	AMY1A	chr1:104292278-104301311	0	0	0	1
XLOC_000549	NTNG1	chr1:107682628-108024475	0	0	0	1
XLOC_000550	VAV3-AS1	chr1:108113781-108537229	0	0	0	1
XLOC_000551	NBPF6	chr1:108992903-109013260	0	0	0	1
XLOC_000556	SRG7	chr1:109358519-109401146	0	0	0	1
XLOC_000568	MIR197	chr1:110141514-110141589	0	0	0	1
XLOC_000578	SLC6A17	chr1:110693131-110744823	0	0	0	1
XLOC_000582	CYMP	chr1:111023387-111033891	0	0	0	1

XLOC_000583	CD53	chr1:111413820-111442558	0	0	0	1
XLOC_000585	CHI3L2	chr1:111770280-111786062	0	0	0	1
XLOC_000587	CHIA	chr1:111833473-111863188	0	0	0	1
XLOC_000588	PIFO	chr1:111889194-111895639	0	0	0	1
XLOC_000607	SYCP1	chr1:115397454-115537990	0	0	0	1
XLOC_000608	TSHB	chr1:115572414-115576941	0	0	0	1
XLOC_000613	MIR320B1	chr1:117214370-117214449	0	0	0	1
XLOC_000614	CD2	chr1:117297085-117311851	0	0	0	1
XLOC_000618	MIR942	chr1:117602948-117645491	0	0	0	1
XLOC_000623	HSD3B2	chr1:119957553-119965662	0	0	0	1
XLOC_000624	HSD3B1	chr1:120049825-120057681	0	0	0	1
XLOC_000628	HIST2H2BA	chr1:120906033-120914842	0	0	0	1
XLOC_000630	EMBP1	chr1:121260909-121313686	0	0	0	1
XLOC_000647	GPR89C	chr1:145883867-145924049	0	0	0	1
XLOC_000652	GJA8	chr1:147374945-147381395	0	0	0	1
XLOC_000655	PPIAL4E	chr1:148644010-148644795	0	0	0	1
XLOC_000657	PPIAL4D	chr1:148806014-148806799	0	0	0	1
XLOC_000660	FCGR1C	chr1:149369293-149378297	0	0	0	1
XLOC_000661	PPIAL4B	chr1:149553002-149553787	0	0	0	1
XLOC_000663	FCGR1A	chr1:149754244-149783928	0	0	0	1
XLOC_000664	HIST2H4B	chr1:149804220-149804616	0	0	0	1
XLOC_000665	HIST2H2AA3	chr1:149822627-149823161	0	0	0	1
XLOC_000666	HIST2H3C	chr1:149824180-149824687	0	0	0	1
XLOC_000681	MIR4257	chr1:150521897-150533412	0	0	0	1
XLOC_000696	MIR554	chr1:151512780-151556059	0	0	0	1
XLOC_000698	RIAD1	chr1:151694012-151702082	0	0	0	1
XLOC_000700	LOC100132111	chr1:151810338-151816641	0	0	0	1
XLOC_000701	LCE5A	chr1:152483319-152484653	0	0	0	1
XLOC_000702	CRCT1	chr1:152486977-152488481	0	0	0	1
XLOC_000703	LCE3C	chr1:152573137-152573562	0	0	0	1
XLOC_000704	LCE3B	chr1:152586286-152586574	0	0	0	1
XLOC_000705	LCE2D	chr1:152635886-152637135	0	0	0	1
XLOC_000706	LCE2C	chr1:152647790-152649049	0	0	0	1
XLOC_000707	LCE2B	chr1:152658598-152659876	0	0	0	1
XLOC_000708	LCE2A	chr1:152670839-152671918	0	0	0	1
XLOC_000709	LCE4A	chr1:152681522-152681910	0	0	0	1
XLOC_000710	C1orf68	chr1:152691997-152692905	0	0	0	1
XLOC_000711	KPRP	chr1:152730505-152734529	0	0	0	1
XLOC_000714	LCE1D	chr1:152769226-152770657	0	0	0	1
XLOC_000716	LCE1A	chr1:152799948-152800573	0	0	0	1
XLOC_000717	LCE6A	chr1:152815329-152816459	0	0	0	1
XLOC_000718	SMCP	chr1:152850797-152857523	0	0	0	1
XLOC_000719	IVL	chr1:152881038-152884362	0	0	0	1
XLOC_000720	SPRR4	chr1:152943127-152945069	0	0	0	1
XLOC_000721	SPRR1A	chr1:152956563-152958290	0	0	0	1
XLOC_000722	SPRR3	chr1:152974222-152976332	0	0	0	1
XLOC_000723	SPRR1B	chr1:153003678-153005376	0	0	0	1
XLOC_000724	LELP1	chr1:153175905-153177601	0	0	0	1
XLOC_000725	PRR9	chr1:153190059-153191793	0	0	0	1

XLOC_000726	LOR	chr1:153232178-153234600	0	0	0	1
XLOC_000727	S100A9	chr1:153330329-153333503	0	0	0	1
XLOC_000728	S100A7A	chr1:153388999-153395701	0	0	0	1
XLOC_000732	NPR1	chr1:153651163-153666468	0	0	0	1
XLOC_000739	AQP10	chr1:154293591-154297801	0	0	0	1
XLOC_000745	MIR4258	chr1:154947117-154951725	0	0	0	1
XLOC_000747	LENEP	chr1:154966061-154966791	0	0	0	1
XLOC_000749	DCST1	chr1:155006281-155042029	0	0	0	1
XLOC_000756	MIR92B	chr1:155164967-155165063	0	0	0	1
XLOC_000777	TTC24	chr1:156549518-156556562	0	0	0	1
XLOC_000786	CYCSP52	chr1:157094458-157108383	0	0	0	1
XLOC_000789	CD1A	chr1:158223926-158228058	0	0	0	1
XLOC_000790	CD1C	chr1:158259562-158264564	0	0	0	1
XLOC_000791	CD1E	chr1:158323485-158327343	0	0	0	1
XLOC_000792	OR10K1	chr1:158435351-158436293	0	0	0	1
XLOC_000793	OR10R2	chr1:158449667-158450675	0	0	0	1
XLOC_000794	OR10Z1	chr1:158576228-158577170	0	0	0	1
XLOC_000795	OR6K6	chr1:158724605-158725637	0	0	0	1
XLOC_000796	MNDA	chr1:158801167-158819270	0	0	0	1
XLOC_000797	PYHIN1	chr1:158901336-158946849	0	0	0	1
XLOC_000799	CADM3	chr1:159141376-159172932	0	0	0	1
XLOC_000800	DARC	chr1:159173802-159176290	0	0	0	1
XLOC_000801	FCER1A	chr1:159259503-159278014	0	0	0	1
XLOC_000802	OR10J1	chr1:159409511-159410600	0	0	0	1
XLOC_000803	APCS	chr1:159557615-159558661	0	0	0	1
XLOC_000805	FCRL6	chr1:159772172-159786047	0	0	0	1
XLOC_000806	SLAMF8	chr1:159796478-159832447	0	0	0	1
XLOC_000807	LOC100505633	chr1:159931013-159948876	0	0	0	1
XLOC_000810	ATP1A4	chr1:160121351-160156767	0	0	0	1
XLOC_000831	FCGR2C	chr1:161551128-161571010	0	0	0	1
XLOC_000833	FCGR2B	chr1:161632904-161648444	0	0	0	1
XLOC_000839	MIR4654	chr1:162039580-162339813	0	0	0	1
XLOC_000840	MIR556	chr1:162039580-162339813	0	0	0	1
XLOC_000849	LRRC52	chr1:165446078-165551341	0	0	0	1
XLOC_000851	LOC440700	chr1:165667986-165679199	0	0	0	1
XLOC_000853	FMO9P	chr1:166573152-166594473	0	0	0	1
XLOC_000856	DUSP27	chr1:167064086-167098402	0	0	0	1
XLOC_000864	MIR557	chr1:168344761-168344859	0	0	0	1
XLOC_000865	XCL1	chr1:168545710-168551315	0	0	0	1
XLOC_000866	LINC00626	chr1:168756178-168762126	0	0	0	1
XLOC_000870	METTL11B	chr1:170115187-170136923	0	0	0	1
XLOC_000872	PRRX1	chr1:170633312-170708541	0	0	0	1
XLOC_000873	MROH9	chr1:170904611-171033906	0	0	0	1
XLOC_000874	FMO3	chr1:171060017-171086959	0	0	0	1
XLOC_000875	MIR1295B	chr1:171060017-171086959	0	0	0	1
XLOC_000876	FMO6P	chr1:171106878-171130702	0	0	0	1
XLOC_000877	FMO2	chr1:171154387-171181822	0	0	0	1
XLOC_000878	FMO1	chr1:171217662-171255113	0	0	0	1
XLOC_000884	MIR3120	chr1:171810620-172381857	0	0	0	1

XLOC_000885	C1orf105	chr1:172389827-172437969	0	0	0	1
XLOC_000887	FASLG	chr1:172628184-172636012	0	0	0	1
XLOC_000889	LOC730159	chr1:173577474-173639001	0	0	0	1
XLOC_000897	TNN	chr1:175036993-175117202	0	0	0	1
XLOC_000899	FAM5B	chr1:177140632-177251558	0	0	0	1
XLOC_000901	TEX35	chr1:178482211-178492635	0	0	0	1
XLOC_000903	MIR4424	chr1:178646883-178646969	0	0	0	1
XLOC_000910	FAM163A	chr1:179712297-179785333	0	0	0	1
XLOC_000919	GM140	chr1:181205523-181207740	0	0	0	1
XLOC_000920	CACNA1E	chr1:181452685-181775921	0	0	0	1
XLOC_000921	LINC00272	chr1:182376755-182383948	0	0	0	1
XLOC_000922	RGSL1	chr1:182419255-182529732	0	0	0	1
XLOC_000923	LOC284648	chr1:182584274-182585764	0	0	0	1
XLOC_000934	HMCN1	chr1:185703682-186446655	0	0	0	1
XLOC_000939	LOC440704	chr1:190594019-190770788	0	0	0	1
XLOC_000940	RGS18	chr1:192127591-192154945	0	0	0	1
XLOC_000941	RGS21	chr1:192286121-192336414	0	0	0	1
XLOC_000942	RGS1	chr1:192544856-192549159	0	0	0	1
XLOC_000943	RGS13	chr1:192605267-192629440	0	0	0	1
XLOC_000947	MIR1278	chr1:193091087-193223942	0	0	0	1
XLOC_000948	CFH	chr1:196621007-196716634	0	0	0	1
XLOC_000949	CFHR3	chr1:196743929-196763203	0	0	0	1
XLOC_000950	CFHR1	chr1:196788860-196801319	0	0	0	1
XLOC_000951	CFHR4	chr1:196857143-196887843	0	0	0	1
XLOC_000952	CFHR2	chr1:196912933-196928356	0	0	0	1
XLOC_000956	LHX9	chr1:197881634-197899273	0	0	0	1
XLOC_000958	PTPRC	chr1:198608097-198726605	0	0	0	1
XLOC_000961	GPR25	chr1:200842082-200843306	0	0	0	1
XLOC_000964	PKP1	chr1:201252579-201302121	0	0	0	1
XLOC_000967	MIR5191	chr1:201617449-201796102	0	0	0	1
XLOC_000968	MIR1231	chr1:201617449-201796102	0	0	0	1
XLOC_000974	GPR37L1	chr1:202092028-202098634	0	0	0	1
XLOC_000979	LOC641515	chr1:202794328-202795421	0	0	0	1
XLOC_000988	SNORA77	chr1:203595914-203713209	0	0	0	1
XLOC_000990	LAX1	chr1:203734283-203745480	0	0	0	1
XLOC_001005	CTSE	chr1:206317458-206332104	0	0	0	1
XLOC_001011	IL19	chr1:206972214-207016326	0	0	0	1
XLOC_001012	IL20	chr1:207039153-207042568	0	0	0	1
XLOC_001016	C4BPA	chr1:207277606-207318317	0	0	0	1
XLOC_001018	CR2	chr1:207627644-207663240	0	0	0	1
XLOC_001020	CR1L	chr1:207818457-207897036	0	0	0	1
XLOC_001023	MIR205HG	chr1:209602167-209605892	0	0	0	1
XLOC_001029	SYT14	chr1:210111518-210337633	0	0	0	1
XLOC_001030	SERTAD4	chr1:210404803-210416440	0	0	0	1
XLOC_001036	MIR3122	chr1:212113740-212278187	0	0	0	1
XLOC_001038	SNORA16B	chr1:212458878-212535205	0	0	0	1
XLOC_001046	LINC00538	chr1:214098091-214099996	0	0	0	1
XLOC_001050	KCNK2	chr1:215178884-215410436	0	0	0	1
XLOC_001053	LINC00210	chr1:218066241-218094146	0	0	0	1

XLOC_001057	RNU5F-1	chr1:220046618-220321383	0	0	0	1
XLOC_001059	MARK1	chr1:220701567-220837799	0	0	0	1
XLOC_001068	C1orf65	chr1:223566714-223568812	0	0	0	1
XLOC_001078	MIXL1	chr1:226411382-226413513	0	0	0	1
XLOC_001079	C1orf95	chr1:226736500-226796915	0	0	0	1
XLOC_001085	PRSS38	chr1:228003417-228034171	0	0	0	1
XLOC_001086	WNT3A	chr1:228194722-228248972	0	0	0	1
XLOC_001088	MIR3620	chr1:228270360-228286913	0	0	0	1
XLOC_001094	MIR4666A	chr1:228649774-228649853	0	0	0	1
XLOC_001101	CAPN9	chr1:230883129-230937749	0	0	0	1
XLOC_001107	MAP10	chr1:232940637-232946092	0	0	0	1
XLOC_001111	MIR4427	chr1:233749749-233808258	0	0	0	1
XLOC_001112	SLC35F3	chr1:234040678-234460262	0	0	0	1
XLOC_001113	MIR4671	chr1:234040678-234460262	0	0	0	1
XLOC_001122	ACTN2	chr1:236849769-236927558	0	0	0	1
XLOC_001125	LOC100130331	chr1:238025474-238091619	0	0	0	1
XLOC_001127	RPS7P5	chr1:240170823-240176560	0	0	0	1
XLOC_001128	FMN2	chr1:240255184-240638489	0	0	0	1
XLOC_001129	MIR3123	chr1:240938816-241520478	0	0	0	1
XLOC_001131	WDR64	chr1:241815579-241965434	0	0	0	1
XLOC_001134	MIR4677	chr1:243419306-244006886	0	0	0	1
XLOC_001135	LOC339529	chr1:244080703-244210619	0	0	0	1
XLOC_001137	C1orf100	chr1:244515936-244552388	0	0	0	1
XLOC_001148	OR2W5	chr1:247654369-247655711	0	0	0	1
XLOC_001149	GCSAML	chr1:247712450-247739848	0	0	0	1
XLOC_001150	OR2G2	chr1:247751661-247752615	0	0	0	1
XLOC_001151	OR2G3	chr1:247768887-247769817	0	0	0	1
XLOC_001153	OR2W3	chr1:248058888-248059833	0	0	0	1
XLOC_001154	OR2T8	chr1:248084319-248085258	0	0	0	1
XLOC_001155	OR2L13	chr1:248100492-248264224	0	0	0	1
XLOC_001156	OR2L8	chr1:248100492-248264224	0	0	0	1
XLOC_001157	OR2AK2	chr1:248100492-248264224	0	0	0	1
XLOC_001158	OR2L1P	chr1:248100492-248264224	0	0	0	1
XLOC_001159	OR2L5	chr1:248100492-248264224	0	0	0	1
XLOC_001160	OR2L2	chr1:248100492-248264224	0	0	0	1
XLOC_001161	OR2L3	chr1:248100492-248264224	0	0	0	1
XLOC_001162	OR2M1P	chr1:248285437-248286082	0	0	0	1
XLOC_001163	OR2M5	chr1:248308449-248309388	0	0	0	1
XLOC_001164	OR2M2	chr1:248343287-248344331	0	0	0	1
XLOC_001165	OR2M3	chr1:248366369-248367308	0	0	0	1
XLOC_001166	OR2M4	chr1:248402230-248403166	0	0	0	1
XLOC_001167	OR14C36	chr1:248512076-248513015	0	0	0	1
XLOC_001168	OR2T4	chr1:248524882-248525929	0	0	0	1
XLOC_001169	OR2T6	chr1:248550909-248551836	0	0	0	1
XLOC_001170	OR2T1	chr1:248569295-248570405	0	0	0	1
XLOC_001171	OR2T2	chr1:248616098-248617073	0	0	0	1
XLOC_001172	OR2T3	chr1:248636651-248637608	0	0	0	1
XLOC_001173	OR2T5	chr1:248651889-248652837	0	0	0	1
XLOC_001174	OR2G6	chr1:248684947-248685898	0	0	0	1

XLOC_001175	MIR3124	chr1:249120575-249120642	0	0	0	1
XLOC_001179	FAM138F	chr1:34610-36081	0	0	0	1
XLOC_001181	OR4F3	chr1:621095-622034	0	0	0	1
XLOC_001192	TNFRSF18	chr1:1138887-1142089	0	0	0	1
XLOC_001220	HES5	chr1:2460183-2461684	0	0	0	1
XLOC_001227	MIR551A	chr1:3404505-3528059	0	0	0	1
XLOC_001229	TP73-AS1	chr1:3569128-3663937	0	0	0	1
XLOC_001233	MIR4689	chr1:5922731-5922801	0	0	0	1
XLOC_001241	MIR4252	chr1:6484847-6521004	0	0	0	1
XLOC_001254	MIR34A	chr1:9211726-9211836	0	0	0	1
XLOC_001255	C1orf200	chr1:9711789-9884550	0	0	0	1
XLOC_001273	PRAMEF11	chr1:12884467-12891264	0	0	0	1
XLOC_001274	HNRNPCL1,LOC6	chr1:12907235-12908578	0	0	0	1
XLOC_001275	PRAMEF4	chr1:12939032-12946025	0	0	0	1
XLOC_001276	PRAMEF10	chr1:12952726-12958094	0	0	0	1
XLOC_001277	PRAMEF6	chr1:12998301-13007406	0	0	0	1
XLOC_001278	PRAMEF5	chr1:13108513-13117751	0	0	0	1
XLOC_001279	LOC440563	chr1:13182959-13184326	0	0	0	1
XLOC_001280	PRAMEF3	chr1:13328195-13331692	0	0	0	1
XLOC_001281	PRAMEF8	chr1:13386646-13390765	0	0	0	1
XLOC_001282	PRAMEF13,PRAM	chr1:13447413-13452656	0	0	0	1
XLOC_001283	PRAMEF18	chr1:13474052-13477569	0	0	0	1
XLOC_001284	PRAMEF7,PRAM	chr1:13607430-13611550	0	0	0	1
XLOC_001285	PRAMEF14	chr1:13668268-13673511	0	0	0	1
XLOC_001286	PRAMEF18	chr1:13694888-13698405	0	0	0	1
XLOC_001287	LRRRC38	chr1:13801444-13840242	0	0	0	1
XLOC_001294	HSPB7	chr1:16340522-16345285	0	0	0	1
XLOC_001304	ESPNP	chr1:17017712-17046652	0	0	0	1
XLOC_001306	MIR3675	chr1:17185443-17185516	0	0	0	1
XLOC_001310	PADI2	chr1:17393255-17445948	0	0	0	1
XLOC_001312	TAS1R2	chr1:19166092-19186155	0	0	0	1
XLOC_001314	MIR4695	chr1:19197923-19229293	0	0	0	1
XLOC_001324	RNF186	chr1:20140521-20141771	0	0	0	1
XLOC_001325	PLA2G2E	chr1:20246799-20250110	0	0	0	1
XLOC_001326	PLA2G2A	chr1:20301923-20306932	0	0	0	1
XLOC_001328	PLA2G2C	chr1:20490483-20501687	0	0	0	1
XLOC_001329	LOC339505	chr1:20686293-20755287	0	0	0	1
XLOC_001342	MIR4253	chr1:23037330-23241823	0	0	0	1
XLOC_001363	RUNX3	chr1:25226001-25291501	0	0	0	1
XLOC_001372	SLC30A2	chr1:26364513-26372604	0	0	0	1
XLOC_001373	TRIM63	chr1:26377795-26394125	0	0	0	1
XLOC_001376	ZNF683	chr1:26688124-26699266	0	0	0	1
XLOC_001380	C1orf172	chr1:27276046-27286901	0	0	0	1
XLOC_001384	FCN3	chr1:27695600-27701315	0	0	0	1
XLOC_001385	CD164L2	chr1:27705595-27709805	0	0	0	1
XLOC_001388	FGR	chr1:27938800-27961727	0	0	0	1
XLOC_001405	MIR4420	chr1:31205314-31230683	0	0	0	1
XLOC_001408	SNORD103A	chr1:31404352-31538564	0	0	0	1
XLOC_001409	SNORD103A	chr1:31404352-31538564	0	0	0	1

XLOC_001410	SNORD85	chr1:31404352-31538564	0	0	0	1
XLOC_001417	MIR4254	chr1:32192717-32229648	0	0	0	1
XLOC_001452	CSF3R	chr1:36931643-36948915	0	0	0	1
XLOC_001453	GRIK3	chr1:37261127-37499844	0	0	0	1
XLOC_001456	MIR5581	chr1:37955560-37980420	0	0	0	1
XLOC_001459	RSPO1	chr1:38076950-38100595	0	0	0	1
XLOC_001468	LOC339442	chr1:38674705-38680439	0	0	0	1
XLOC_001474	SNORA55	chr1:40026484-40042521	0	0	0	1
XLOC_001475	HEYL	chr1:40089102-40105348	0	0	0	1
XLOC_001476	NT5C1A	chr1:40124792-40137710	0	0	0	1
XLOC_001494	CLDN19	chr1:43198763-43205925	0	0	0	1
XLOC_001524	KNCN	chr1:47004367-47069966	0	0	0	1
XLOC_001531	PDZK1IP1	chr1:47649260-47655771	0	0	0	1
XLOC_001532	TAL1	chr1:47681962-47695443	0	0	0	1
XLOC_001536	SKINTL	chr1:48567386-48648100	0	0	0	1
XLOC_001538	AGBL4	chr1:48998526-50489626	0	0	0	1
XLOC_001539	BEND5	chr1:48998526-50489626	0	0	0	1
XLOC_001552	SLC1A7	chr1:53552854-53608289	0	0	0	1
XLOC_001556	SLC25A3P1	chr1:53904042-53905693	0	0	0	1
XLOC_001561	LDLRAD1	chr1:54472970-54483859	0	0	0	1
XLOC_001563	CDCP2	chr1:54604667-54618679	0	0	0	1
XLOC_001568	TTC22	chr1:55246751-55266941	0	0	0	1
XLOC_001572	C1orf168	chr1:57184476-57285369	0	0	0	1
XLOC_001573	C8B	chr1:57394882-57431688	0	0	0	1
XLOC_001574	DAB1	chr1:57463578-58716211	0	0	0	1
XLOC_001580	MIR4711	chr1:59762624-60228402	0	0	0	1
XLOC_001581	CYP2J2	chr1:60358979-60392423	0	0	0	1
XLOC_001582	C1orf87	chr1:60456065-60539442	0	0	0	1
XLOC_001584	KANK4	chr1:62701836-62785083	0	0	0	1
XLOC_001589	MIR3671	chr1:65523437-65523525	0	0	0	1
XLOC_001590	MIR101-1	chr1:65524116-65524191	0	0	0	1
XLOC_001591	INSL5	chr1:67263423-67266942	0	0	0	1
XLOC_001599	MIR1262	chr1:68167148-68698284	0	0	0	1
XLOC_001600	RPE65	chr1:68894506-68915642	0	0	0	1
XLOC_001604	PTGER3	chr1:71318035-71546972	0	0	0	1
XLOC_001606	MIR186	chr1:71318035-71546972	0	0	0	1
XLOC_001607	NEGR1	chr1:71868624-72748277	0	0	0	1
XLOC_001608	NEGR1-IT1	chr1:71868624-72748277	0	0	0	1
XLOC_001610	C1orf173	chr1:75033794-75139422	0	0	0	1
XLOC_001612	SLC44A5	chr1:75667815-76076799	0	0	0	1
XLOC_001613	ASB17	chr1:76384557-76398116	0	0	0	1
XLOC_001618	ELTD1	chr1:79355448-79472495	0	0	0	1
XLOC_001619	MIR548AP	chr1:84259597-84464833	0	0	0	1
XLOC_001637	LOC100505768	chr1:87819209-87837338	0	0	0	1
XLOC_001643	GBP7	chr1:89597433-89641723	0	0	0	1
XLOC_001645	GBP5	chr1:89724633-89738544	0	0	0	1
XLOC_001648	BARHL2	chr1:91177578-91182794	0	0	0	1
XLOC_001650	HFM1	chr1:91726322-91870426	0	0	0	1
XLOC_001667	MIR137,MIR137H	chr1:98453555-98515249	0	0	0	1

XLOC_001668	MIR2682	chr1:98453555-98515249	0	0	0	1
XLOC_001669	LPPR5	chr1:99355800-99614408	0	0	0	1
XLOC_001675	LOC100128787	chr1:101092605-101112560	0	0	0	1
XLOC_001678	RNU6-6	chr1:101806424-101806451	0	0	0	1
XLOC_001679	OLFM3	chr1:102268126-102462790	0	0	0	1
XLOC_001680	COL11A1	chr1:103342022-103574052	0	0	0	1
XLOC_001681	AMY1A	chr1:104230039-104239073	0	0	0	1
XLOC_001682	VAV3	chr1:108113781-108537229	0	0	0	1
XLOC_001684	NBPF4	chr1:108765962-108786703	0	0	0	1
XLOC_001685	HENMT1	chr1:109190909-109204148	0	0	0	1
XLOC_001692	MYBPHL	chr1:109834986-109849663	0	0	0	1
XLOC_001698	EPS8L3	chr1:110292701-110306644	0	0	0	1
XLOC_001703	KCNA10	chr1:111059838-111061797	0	0	0	1
XLOC_001704	KCNA2	chr1:111136201-111174096	0	0	0	1
XLOC_001705	KCNA3	chr1:111214309-111217655	0	0	0	1
XLOC_001706	LRIF1	chr1:111489811-111506566	0	0	0	1
XLOC_001709	PGCP1	chr1:111927140-111932473	0	0	0	1
XLOC_001712	ADORA3	chr1:112025969-112106597	0	0	0	1
XLOC_001716	MIR4256	chr1:113004391-113004455	0	0	0	1
XLOC_001721	LOC643441	chr1:113739403-113748875	0	0	0	1
XLOC_001727	SYT6	chr1:114631913-114696472	0	0	0	1
XLOC_001730	DENND2C	chr1:115127195-115212732	0	0	0	1
XLOC_001734	TSPAN2	chr1:115590632-115632121	0	0	0	1
XLOC_001735	NGF	chr1:115828536-115880857	0	0	0	1
XLOC_001742	VTCN1	chr1:117686208-117753582	0	0	0	1
XLOC_001744	SPAG17	chr1:118472371-118727848	0	0	0	1
XLOC_001749	HMGCS2	chr1:120290618-120311555	0	0	0	1
XLOC_001752	ADAM30	chr1:120436155-120439147	0	0	0	1
XLOC_001760	PPIAL4B	chr1:144363461-144364246	0	0	0	1
XLOC_001763	LOC653513	chr1:144614958-144828810	0	0	0	1
XLOC_001771	PDZK1P1	chr1:145924387-145942619	0	0	0	1
XLOC_001776	LINC00624	chr1:146853913-146989699	0	0	0	1
XLOC_001778	GJA5	chr1:147228331-147245484	0	0	0	1
XLOC_001779	PDZK1P1	chr1:147466093-147484331	0	0	0	1
XLOC_001781	MIR5087	chr1:147806602-147806678	0	0	0	1
XLOC_001782	FLJ39739	chr1:147906021-147931980	0	0	0	1
XLOC_001783	PPIAL4B	chr1:147954634-147955419	0	0	0	1
XLOC_001785	PPIAL4D	chr1:148201751-148202536	0	0	0	1
XLOC_001788	HIST2H3A	chr1:149812258-149812765	0	0	0	1
XLOC_001791	HIST2H4A	chr1:149832329-149832725	0	0	0	1
XLOC_001803	HORMAD1	chr1:150670534-150693364	0	0	0	1
XLOC_001816	SELENBP1	chr1:151336777-151345210	0	0	0	1
XLOC_001821	LINGO4	chr1:151772764-151777882	0	0	0	1
XLOC_001823	C2CD4D	chr1:151810338-151816641	0	0	0	1
XLOC_001824	THEM5	chr1:151819576-151826173	0	0	0	1
XLOC_001828	TCHHL1	chr1:152056619-152061540	0	0	0	1
XLOC_001829	TCHH	chr1:152078792-152087930	0	0	0	1
XLOC_001830	RPTN	chr1:152126070-152131704	0	0	0	1
XLOC_001833	FLG2	chr1:152321212-152332482	0	0	0	1

XLOC_001834	CRNN	chr1:152381718-152386750	0	0	0	1
XLOC_001835	LCE3E	chr1:152538174-152539229	0	0	0	1
XLOC_001836	LCE3D	chr1:152551859-152552980	0	0	0	1
XLOC_001837	LCE3A	chr1:152595309-152595579	0	0	0	1
XLOC_001839	SPRR2D	chr1:153012200-153013594	0	0	0	1
XLOC_001840	SPRR2A	chr1:153028595-153029988	0	0	0	1
XLOC_001841	SPRR2B	chr1:153042717-153044084	0	0	0	1
XLOC_001842	SPRR2E	chr1:153065610-153067001	0	0	0	1
XLOC_001843	SPRR2F	chr1:153084612-153085989	0	0	0	1
XLOC_001844	SPRR2C	chr1:153112593-153113969	0	0	0	1
XLOC_001845	SPRR2G	chr1:153122057-153123427	0	0	0	1
XLOC_001846	PGLYRP3	chr1:153270337-153283194	0	0	0	1
XLOC_001847	PGLYRP4	chr1:153302596-153321022	0	0	0	1
XLOC_001848	S100A12	chr1:153346183-153348075	0	0	0	1
XLOC_001849	S100A8	chr1:153362507-153363664	0	0	0	1
XLOC_001850	S100A7L2	chr1:153409470-153412503	0	0	0	1
XLOC_001851	S100A7	chr1:153430219-153433137	0	0	0	1
XLOC_001869	MIR190B	chr1:154166140-154166219	0	0	0	1
XLOC_001898	SNORA42	chr1:155882835-155904188	0	0	0	1
XLOC_001909	C1orf61	chr1:156374054-156399184	0	0	0	1
XLOC_001910	MIR9-1	chr1:156374054-156399184	0	0	0	1
XLOC_001920	INSRR	chr1:156776034-156851642	0	0	0	1
XLOC_001922	MIR765	chr1:156904631-157015162	0	0	0	1
XLOC_001923	ETV3L	chr1:157061834-157069600	0	0	0	1
XLOC_001925	FCRL5	chr1:157483166-157522310	0	0	0	1
XLOC_001926	FCRL4	chr1:157543538-157567870	0	0	0	1
XLOC_001927	FCRL3	chr1:157647977-157670647	0	0	0	1
XLOC_001928	FCRL2	chr1:157715522-157746922	0	0	0	1
XLOC_001929	FCRL1	chr1:157764193-157789940	0	0	0	1
XLOC_001930	CD5L	chr1:157800703-157811634	0	0	0	1
XLOC_001931	LOC646268	chr1:158101833-158110430	0	0	0	1
XLOC_001932	CD1B	chr1:158297739-158301321	0	0	0	1
XLOC_001933	OR10T2	chr1:158368311-158369256	0	0	0	1
XLOC_001934	OR10K2	chr1:158389717-158390656	0	0	0	1
XLOC_001935	OR6Y1	chr1:158516917-158517895	0	0	0	1
XLOC_001936	OR6P1	chr1:158532440-158533394	0	0	0	1
XLOC_001937	OR10X1	chr1:158548708-158549689	0	0	0	1
XLOC_001938	SPTA1	chr1:158580495-158656506	0	0	0	1
XLOC_001939	OR6K2	chr1:158669467-158670442	0	0	0	1
XLOC_001940	OR6K3	chr1:158686957-158687905	0	0	0	1
XLOC_001941	OR6N1	chr1:158735533-158736472	0	0	0	1
XLOC_001942	OR6N2	chr1:158746471-158747425	0	0	0	1
XLOC_001943	AIM2	chr1:159032274-159046647	0	0	0	1
XLOC_001944	LOC100131825	chr1:159141376-159172932	0	0	0	1
XLOC_001945	OR10J3	chr1:159283459-159284449	0	0	0	1
XLOC_001946	OR10J5	chr1:159504867-159505797	0	0	0	1
XLOC_001947	CRP	chr1:159682078-159684379	0	0	0	1
XLOC_001951	IGSF9	chr1:159896828-159915386	0	0	0	1
XLOC_001952	SLAMF9	chr1:159921281-159924044	0	0	0	1

XLOC_001959	SLAMF6	chr1:160454819-160493052	0	0	0	1
XLOC_001961	SLAMF1	chr1:160579890-160617081	0	0	0	1
XLOC_001963	CD244	chr1:160799949-160832692	0	0	0	1
XLOC_001964	ITLN1	chr1:160846329-160854960	0	0	0	1
XLOC_001965	ITLN2	chr1:160914815-160924589	0	0	0	1
XLOC_001977	MPZ	chr1:161274524-161279762	0	0	0	1
XLOC_001979	FCGR3A	chr1:161511550-161520413	0	0	0	1
XLOC_001980	FCGR3B	chr1:161592987-161601753	0	0	0	1
XLOC_001983	C1orf111	chr1:162343514-162346644	0	0	0	1
XLOC_001987	LOC100505795	chr1:164528596-164821060	0	0	0	1
XLOC_001988	LMX1A	chr1:165171103-165325952	0	0	0	1
XLOC_001989	RXRG	chr1:165370158-165414592	0	0	0	1
XLOC_001994	MIR921	chr1:166039255-166135958	0	0	0	1
XLOC_002000	ADCY10	chr1:167778624-167883453	0	0	0	1
XLOC_002005	XCL2	chr1:168510002-168513235	0	0	0	1
XLOC_002006	DPT	chr1:168664694-168698442	0	0	0	1
XLOC_002011	SELP	chr1:169558087-169599377	0	0	0	1
XLOC_002013	SELE	chr1:169691780-169703220	0	0	0	1
XLOC_002017	MIR3119-1	chr1:170115187-170136923	0	0	0	1
XLOC_002018	LOC284688	chr1:170240545-170253349	0	0	0	1
XLOC_002019	MIR1295A	chr1:171060017-171086959	0	0	0	1
XLOC_002020	MYOC	chr1:171604556-171621773	0	0	0	1
XLOC_002022	DNM3OS	chr1:171810620-172381857	0	0	0	1
XLOC_002024	TNFSF18	chr1:173010359-173020103	0	0	0	1
XLOC_002027	SLC9C2	chr1:173469603-173572233	0	0	0	1
XLOC_002031	SNORD81	chr1:173832385-173837125	0	0	0	1
XLOC_002034	SNORD79	chr1:173832385-173837125	0	0	0	1
XLOC_002035	SNORD78	chr1:173832385-173837125	0	0	0	1
XLOC_002036	SNORD44	chr1:173832385-173837125	0	0	0	1
XLOC_002037	SNORD77	chr1:173832385-173837125	0	0	0	1
XLOC_002039	SNORD75	chr1:173832385-173837125	0	0	0	1
XLOC_002040	SNORD74	chr1:173832385-173837125	0	0	0	1
XLOC_002045	TNR	chr1:175291934-175712752	0	0	0	1
XLOC_002049	MIR488	chr1:176830202-177134024	0	0	0	1
XLOC_002051	LOC730102	chr1:177975274-178007142	0	0	0	1
XLOC_002059	MIR3121	chr1:180257351-180472022	0	0	0	1
XLOC_002066	RGS8	chr1:182615791-182642067	0	0	0	1
XLOC_002067	SHCBP1L	chr1:182868999-182922553	0	0	0	1
XLOC_002078	LOC100288079	chr1:185292978-185304171	0	0	0	1
XLOC_002079	MIR548F1	chr1:185703682-186446655	0	0	0	1
XLOC_002082	PTGS2	chr1:186640943-186649559	0	0	0	1
XLOC_002083	FAM5C	chr1:190066796-190446759	0	0	0	1
XLOC_002087	KCNT2	chr1:196194912-196577499	0	0	0	1
XLOC_002088	MIR4735	chr1:196194912-196577499	0	0	0	1
XLOC_002092	DENND1B	chr1:197473878-197744623	0	0	0	1
XLOC_002093	ATP6V1G3	chr1:198492351-198510075	0	0	0	1
XLOC_002095	MIR181B1	chr1:198777131-198906558	0	0	0	1
XLOC_002096	MIR181A1	chr1:198777131-198906558	0	0	0	1
XLOC_002102	CACNA1S	chr1:201008639-201081694	0	0	0	1

XLOC_002105	TNNT2	chr1:201328135-201346828	0	0	0	1
XLOC_002106	LAD1	chr1:201349965-201368669	0	0	0	1
XLOC_002110	RNU6-79	chr1:201617449-201796102	0	0	0	1
XLOC_002123	MYBPH	chr1:203136938-203144942	0	0	0	1
XLOC_002124	CHI3L1	chr1:203148058-203155922	0	0	0	1
XLOC_002125	CHIT1	chr1:203185206-203198860	0	0	0	1
XLOC_002127	FMOD	chr1:203309751-203320289	0	0	0	1
XLOC_002128	LINC00303	chr1:204001574-204010392	0	0	0	1
XLOC_002142	KLHDC8A	chr1:205305192-205326218	0	0	0	1
XLOC_002144	MIR135B	chr1:205417429-205417526	0	0	0	1
XLOC_002145	LOC284578	chr1:205523400-205525763	0	0	0	1
XLOC_002151	PM20D1	chr1:205797149-205819276	0	0	0	1
XLOC_002152	SLC26A9	chr1:205882176-205912588	0	0	0	1
XLOC_002153	C1orf186	chr1:206238881-206288236	0	0	0	1
XLOC_002156	FAIM3	chr1:207070787-207095378	0	0	0	1
XLOC_002158	FCAMR	chr1:207131311-207143970	0	0	0	1
XLOC_002161	MIR29C	chr1:207975196-207975284	0	0	0	1
XLOC_002162	MIR29B2	chr1:207975787-207975868	0	0	0	1
XLOC_002163	CD34	chr1:208059882-208084683	0	0	0	1
XLOC_002170	RD3	chr1:211649863-211666259	0	0	0	1
XLOC_002183	ESRRG	chr1:216676587-217311097	0	0	0	1
XLOC_002185	LOC728463	chr1:218517537-218617961	0	0	0	1
XLOC_002187	SLC30A10	chr1:220046618-220321383	0	0	0	1
XLOC_002190	MIR215	chr1:220046618-220321383	0	0	0	1
XLOC_002191	MIR194-1	chr1:220046618-220321383	0	0	0	1
XLOC_002193	MIR664,SNORA3f	chr1:220321609-220445843	0	0	0	1
XLOC_002195	C1orf140	chr1:221503269-221509638	0	0	0	1
XLOC_002205	MIR320B2	chr1:224415035-224517891	0	0	0	1
XLOC_002207	MIR4742	chr1:224572844-224622001	0	0	0	1
XLOC_002211	LEFTY1	chr1:226073981-226076846	0	0	0	1
XLOC_002220	ZNF847P	chr1:227884732-227885408	0	0	0	1
XLOC_002222	WNT9A	chr1:228109164-228135676	0	0	0	1
XLOC_002223	MIR5008	chr1:228109164-228135676	0	0	0	1
XLOC_002229	HIST3H3	chr1:228612545-228613026	0	0	0	1
XLOC_002236	PGBD5	chr1:230457391-230561674	0	0	0	1
XLOC_002241	LOC149373	chr1:231298673-231357314	0	0	0	1
XLOC_002246	LINC00582	chr1:231664398-232177019	0	0	0	1
XLOC_002251	LOC100506795	chr1:234663636-234667525	0	0	0	1
XLOC_002257	MIR4753	chr1:235330209-235491532	0	0	0	1
XLOC_002261	MIR1537	chr1:235824344-236030220	0	0	0	1
XLOC_002262	NID1	chr1:236139131-236228481	0	0	0	1
XLOC_002266	MT1P2	chr1:237167402-237167718	0	0	0	1
XLOC_002267	ZP4	chr1:238025474-238091619	0	0	0	1
XLOC_002268	LOC339535	chr1:238643683-238649317	0	0	0	1
XLOC_002269	GREM2	chr1:240652872-240775462	0	0	0	1
XLOC_002270	RGS7	chr1:240938816-241520478	0	0	0	1
XLOC_002275	PLD5	chr1:242251688-242687998	0	0	0	1
XLOC_002283	LOC255654	chr1:246679340-246687589	0	0	0	1
XLOC_002290	MIR3916	chr1:247365268-247365362	0	0	0	1

XLOC_002292	OR2B11	chr1:247614330-247615284	0	0	0	1
XLOC_002293	OR2C3	chr1:247687980-247697141	0	0	0	1
XLOC_002294	OR13G1	chr1:247835419-247836343	0	0	0	1
XLOC_002295	OR6F1	chr1:247875130-247876057	0	0	0	1
XLOC_002296	OR1C1	chr1:247920763-247921708	0	0	0	1
XLOC_002297	OR14A16	chr1:247978101-247979031	0	0	0	1
XLOC_002298	OR11L1	chr1:248004229-248005198	0	0	0	1
XLOC_002299	OR2T33	chr1:248436153-248437116	0	0	0	1
XLOC_002300	OR2T12	chr1:248457917-248458880	0	0	0	1
XLOC_002301	OR2M7	chr1:248486931-248487870	0	0	0	1
XLOC_002302	OR2T29	chr1:248721844-248722792	0	0	0	1
XLOC_002303	OR2T34	chr1:248737101-248738058	0	0	0	1
XLOC_002304	OR2T10	chr1:248756130-248757069	0	0	0	1
XLOC_002305	OR2T11	chr1:248789478-248790429	0	0	0	1
XLOC_002306	OR2T35	chr1:248801587-248802559	0	0	0	1
XLOC_002307	OR2T27	chr1:248813231-248814185	0	0	0	1
XLOC_002308	OR14I1	chr1:248844669-248845605	0	0	0	1
XLOC_002309	LYPD8	chr1:248902716-248903151	0	0	0	1
XLOC_002317	LINC00200	chr10:1205707-1210612	0	0	0	1
XLOC_002318	ADARB2-AS1	chr10:1223252-1779670	0	0	0	1
XLOC_002321	LINC00705	chr10:4692376-4720262	0	0	0	1
XLOC_002322	AKR1E2	chr10:4868368-4890251	0	0	0	1
XLOC_002323	AKR1C1	chr10:5005453-5020158	0	0	0	1
XLOC_002325	AKR1C4	chr10:5238797-5260910	0	0	0	1
XLOC_002326	UCN3	chr10:5406975-5416169	0	0	0	1
XLOC_002328	CALML3	chr10:5566923-5568225	0	0	0	1
XLOC_002333	MIR3155A	chr10:6186842-6277507	0	0	0	1
XLOC_002340	GATA3	chr10:8096666-8117164	0	0	0	1
XLOC_002342	ECHDC3	chr10:11784355-11806065	0	0	0	1
XLOC_002348	MIR4480	chr10:12391582-12871733	0	0	0	1
XLOC_002353	MIR1265	chr10:14478574-14478660	0	0	0	1
XLOC_002361	ST8SIA6-AS1	chr10:17362675-17496254	0	0	0	1
XLOC_002364	MRC1	chr10:17851361-17953178	0	0	0	1
XLOC_002365	MIR511-1	chr10:17851361-17953178	0	0	0	1
XLOC_002367	MRC1	chr10:18098351-18200091	0	0	0	1
XLOC_002368	MIR511-2	chr10:18098351-18200091	0	0	0	1
XLOC_002369	SLC39A12	chr10:18240767-18332221	0	0	0	1
XLOC_002372	PLXDC2	chr10:20105371-20569115	0	0	0	1
XLOC_002373	MIR4675	chr10:20840898-20840975	0	0	0	1
XLOC_002374	NEBL-AS1	chr10:21068902-21463852	0	0	0	1
XLOC_002376	LOC100130992	chr10:22541000-22547477	0	0	0	1
XLOC_002379	ARMC3	chr10:23216953-23326514	0	0	0	1
XLOC_002381	PTF1A	chr10:23481459-23483181	0	0	0	1
XLOC_002384	MIR603	chr10:23983674-24836772	0	0	0	1
XLOC_002387	MYO3A	chr10:26223001-26501465	0	0	0	1
XLOC_002388	GAD2	chr10:26505235-26593491	0	0	0	1
XLOC_002389	APBB1IP	chr10:26727265-26856732	0	0	0	1
XLOC_002391	LINC00202-2	chr10:26932036-26942383	0	0	0	1
XLOC_002396	MIR5586	chr10:28821421-28912041	0	0	0	1

XLOC_002398	LYZL1	chr10:29577989-29600158	0	0	0	1
XLOC_002406	ANKRD30A	chr10:37414784-37521495	0	0	0	1
XLOC_002412	ACTR3BP5	chr10:38989726-38991371	0	0	0	1
XLOC_002413	LINC00839	chr10:42970938-42990785	0	0	0	1
XLOC_002415	MIR5100	chr10:43493010-43493129	0	0	0	1
XLOC_002416	RET	chr10:43572516-43625797	0	0	0	1
XLOC_002418	FXYD4	chr10:43867091-43871783	0	0	0	1
XLOC_002424	LINC00619	chr10:44340753-44346070	0	0	0	1
XLOC_002425	LINC00840	chr10:44354858-44390881	0	0	0	1
XLOC_002426	LINC00841	chr10:44404751-44465355	0	0	0	1
XLOC_002427	LOC100130539	chr10:44788197-44790097	0	0	0	1
XLOC_002428	TMEM72	chr10:45306471-45455137	0	0	0	1
XLOC_002431	ANKRD30BP3	chr10:45650109-45681489	0	0	0	1
XLOC_002432	MIR3156-1	chr10:45650109-45681489	0	0	0	1
XLOC_002438	PPYR1	chr10:47083533-47088320	0	0	0	1
XLOC_002440	ANXA8L2	chr10:47746919-47763040	0	0	0	1
XLOC_002443	BMS1P2	chr10:48185838-48203780	0	0	0	1
XLOC_002445	FAM25C	chr10:48247661-48252125	0	0	0	1
XLOC_002446	ANXA8	chr10:48255203-48271368	0	0	0	1
XLOC_002451	FAM170B-AS1	chr10:50329883-50359592	0	0	0	1
XLOC_002452	C10orf71	chr10:50507186-50535537	0	0	0	1
XLOC_002453	CHAT	chr10:50817140-50873150	0	0	0	1
XLOC_002454	SLC18A3	chr10:50817140-50873150	0	0	0	1
XLOC_002455	C10orf53	chr10:50887683-50916956	0	0	0	1
XLOC_002456	MSMB	chr10:51549552-51562518	0	0	0	1
XLOC_002461	PRKG1	chr10:52750910-54073888	0	0	0	1
XLOC_002462	MIR605	chr10:52750910-54073888	0	0	0	1
XLOC_002463	DKK1	chr10:54074040-54077417	0	0	0	1
XLOC_002468	BICC1	chr10:60272903-60588845	0	0	0	1
XLOC_002469	FAM133CP	chr10:60272903-60588845	0	0	0	1
XLOC_002470	PHYHIPL	chr10:60936347-61122661	0	0	0	1
XLOC_002472	C10orf107	chr10:63422718-63526091	0	0	0	1
XLOC_002474	MIR548AV	chr10:63661012-63856707	0	0	0	1
XLOC_002480	ANXA2P3	chr10:66585284-66586634	0	0	0	1
XLOC_002481	LRRTM3	chr10:67679724-69455949	0	0	0	1
XLOC_002483	MYPN	chr10:69865873-69971773	0	0	0	1
XLOC_002487	SNORD98	chr10:70480970-70551309	0	0	0	1
XLOC_002492	SRGN	chr10:70847827-70864567	0	0	0	1
XLOC_002508	CHST3	chr10:73724119-73773322	0	0	0	1
XLOC_002512	MIR4676	chr10:74451888-74647452	0	0	0	1
XLOC_002513	OIT3	chr10:74653338-74692787	0	0	0	1
XLOC_002528	ZNF503-AS1	chr10:77056140-77121436	0	0	0	1
XLOC_002533	LINC00856	chr10:80008381-80012402	0	0	0	1
XLOC_002538	SFTPA1	chr10:81370694-81375199	0	0	0	1
XLOC_002541	LOC100288974,M	chr10:81664653-81691557	0	0	0	1
XLOC_002543	PLAC9	chr10:81892257-81904784	0	0	0	1
XLOC_002548	SH2D4B	chr10:82297657-82406316	0	0	0	1
XLOC_002549	NRG3	chr10:83635069-84746935	0	0	0	1
XLOC_002551	C10orf99	chr10:85933553-85945050	0	0	0	1

XLOC_002552	CDHR1	chr10:85954411-85979376	0	0	0	1
XLOC_002553	RGR	chr10:86004808-86018944	0	0	0	1
XLOC_002554	LINC00858	chr10:86039735-86054415	0	0	0	1
XLOC_002556	GRID1-AS1	chr10:87337487-88126250	0	0	0	1
XLOC_002567	MIR4678	chr10:89263637-89263711	0	0	0	1
XLOC_002572	LIPJ	chr10:90346518-90366733	0	0	0	1
XLOC_002573	LIPF	chr10:90424145-90438572	0	0	0	1
XLOC_002574	LIPK	chr10:90484300-90512513	0	0	0	1
XLOC_002575	LIPN	chr10:90521162-90537999	0	0	0	1
XLOC_002576	LIPM	chr10:90562486-90611732	0	0	0	1
XLOC_002579	MIR4679-1	chr10:90823091-90823168	0	0	0	1
XLOC_002582	IFIT1B	chr10:91137812-91144962	0	0	0	1
XLOC_002586	LOC643529	chr10:91589249-91600618	0	0	0	1
XLOC_002588	LINC00502	chr10:92805564-92821916	0	0	0	1
XLOC_002594	MARK2P9	chr10:94178417-94179363	0	0	0	1
XLOC_002596	HHEX	chr10:94449680-94455408	0	0	0	1
XLOC_002598	CYP26C1	chr10:94821020-94828454	0	0	0	1
XLOC_002602	PDE6C	chr10:95372344-95425429	0	0	0	1
XLOC_002603	LGI1	chr10:95517565-95557916	0	0	0	1
XLOC_002608	CYP2C18	chr10:96443250-96495947	0	0	0	1
XLOC_002609	CYP2C19	chr10:96522462-96612671	0	0	0	1
XLOC_002611	C10orf129	chr10:96953956-96988686	0	0	0	1
XLOC_002617	DNTT	chr10:98064084-98098321	0	0	0	1
XLOC_002620	LOC100505540	chr10:98757794-99052430	0	0	0	1
XLOC_002628	MIR5692C2	chr10:99344101-99372555	0	0	0	1
XLOC_002635	NKX2-3	chr10:101292689-101296280	0	0	0	1
XLOC_002647	MIR608	chr10:102732285-102747272	0	0	0	1
XLOC_002653	FLJ41350	chr10:102989350-102998616	0	0	0	1
XLOC_002661	ELOVL3	chr10:103986142-103989344	0	0	0	1
XLOC_002665	MIR146B	chr10:104196268-104196341	0	0	0	1
XLOC_002674	LOC729020	chr10:105005643-105007773	0	0	0	1
XLOC_002675	INA	chr10:105036919-105050108	0	0	0	1
XLOC_002685	SORCS3	chr10:106400858-107024993	0	0	0	1
XLOC_002686	RNU6-53	chr10:110930414-110999490	0	0	0	1
XLOC_002691	RBM20	chr10:112404154-112599227	0	0	0	1
XLOC_002695	TECTB	chr10:114043492-114063070	0	0	0	1
XLOC_002698	MIR4295	chr10:114206755-114578504	0	0	0	1
XLOC_002700	HABP2	chr10:115310589-115423829	0	0	0	1
XLOC_002705	TDRD1	chr10:115939028-115992063	0	0	0	1
XLOC_002706	VWA2	chr10:115999012-116054259	0	0	0	1
XLOC_002709	ATRN1	chr10:116853123-117708496	0	0	0	1
XLOC_002710	CCDC172	chr10:118083939-118139541	0	0	0	1
XLOC_002711	PNLIPRP3	chr10:118187423-118237468	0	0	0	1
XLOC_002712	PNLIP	chr10:118305427-118327367	0	0	0	1
XLOC_002714	PNLIPRP2	chr10:118380464-118404654	0	0	0	1
XLOC_002716	KCNK18	chr10:118956999-118969810	0	0	0	1
XLOC_002718	EMX2	chr10:119243803-119309057	0	0	0	1
XLOC_002723	MIR4681	chr10:120967196-121215131	0	0	0	1
XLOC_002727	MIR4682	chr10:121718024-121718104	0	0	0	1

XLOC_002728	PPAPDC1A	chr10:122216465-122806858	0	0	0	1
XLOC_002729	MIR5694	chr10:122216465-122806858	0	0	0	1
XLOC_002734	MIR3941	chr10:124134093-124191871	0	0	0	1
XLOC_002740	FAM24A	chr10:124670216-124672627	0	0	0	1
XLOC_002746	GPR26	chr10:125425870-125456913	0	0	0	1
XLOC_002750	LOC100169752	chr10:127262939-127267014	0	0	0	1
XLOC_002757	NPS	chr10:129347612-129350935	0	0	0	1
XLOC_002758	FOXI2	chr10:129535537-129539450	0	0	0	1
XLOC_002768	C10orf91	chr10:134258713-134261825	0	0	0	1
XLOC_002770	LOC399829	chr10:134779037-134790001	0	0	0	1
XLOC_002771	GPR123	chr10:134901408-134945179	0	0	0	1
XLOC_002773	UTF1	chr10:135043777-135045062	0	0	0	1
XLOC_002776	PRAP1	chr10:135160843-135166187	0	0	0	1
XLOC_002781	DUX2,DUX4,DUX	chr10:135480367-135498492	0	0	0	1
XLOC_002784	MIR5699	chr10:320129-735608	0	0	0	1
XLOC_002788	ADARB2	chr10:1223252-1779670	0	0	0	1
XLOC_002789	LINC00700	chr10:2047666-2056542	0	0	0	1
XLOC_002790	LINC00701	chr10:2342512-2357268	0	0	0	1
XLOC_002793	LINC00704	chr10:4692376-4720262	0	0	0	1
XLOC_002794	AKR1C6P	chr10:4913858-4958465	0	0	0	1
XLOC_002795	AKR1C2	chr10:5029967-5060225	0	0	0	1
XLOC_002796	AKR1CL1	chr10:5196654-5227150	0	0	0	1
XLOC_002798	CALML5	chr10:5540657-5541533	0	0	0	1
XLOC_002803	IL2RA	chr10:6052656-6104333	0	0	0	1
XLOC_002804	MIR3155B	chr10:6186842-6277507	0	0	0	1
XLOC_002806	SFMBT2	chr10:7200585-7453448	0	0	0	1
XLOC_002809	GATA3-AS1	chr10:8092412-8095447	0	0	0	1
XLOC_002811	LINC00710	chr10:10976902-10994126	0	0	0	1
XLOC_002812	CELF2-AS2	chr10:11047258-11378672	0	0	0	1
XLOC_002818	UCMA	chr10:13263766-13276328	0	0	0	1
XLOC_002829	PPIAP30	chr10:15147770-15210695	0	0	0	1
XLOC_002831	ITGA8	chr10:15559087-15761770	0	0	0	1
XLOC_002839	LOC100129213	chr10:18240767-18332221	0	0	0	1
XLOC_002842	C10orf113	chr10:21068902-21463852	0	0	0	1
XLOC_002844	MIR1915	chr10:21783420-21786213	0	0	0	1
XLOC_002847	EBLN1	chr10:22497742-22498912	0	0	0	1
XLOC_002850	C10orf67	chr10:23605519-23633772	0	0	0	1
XLOC_002854	GPR158-AS1	chr10:25447000-25891157	0	0	0	1
XLOC_002861	PTCHD3	chr10:27687116-27703297	0	0	0	1
XLOC_002862	MKX	chr10:27961802-28034778	0	0	0	1
XLOC_002863	ARMC4	chr10:28101096-28287977	0	0	0	1
XLOC_002866	LINC00837	chr10:29078239-29084979	0	0	0	1
XLOC_002868	MIR604	chr10:29746276-30024730	0	0	0	1
XLOC_002869	MIR938	chr10:29746276-30024730	0	0	0	1
XLOC_002870	KIAA1462	chr10:30301728-30348488	0	0	0	1
XLOC_002872	LYZL2	chr10:30900707-30918647	0	0	0	1
XLOC_002880	LINC00838	chr10:34048640-34061608	0	0	0	1
XLOC_002884	MTRNR2L7	chr10:37890365-37891859	0	0	0	1
XLOC_002892	RASGEF1A	chr10:43689983-43762367	0	0	0	1

XLOC_002896	HNRNPA3P1	chr10:44282859-44285865	0	0	0	1
XLOC_002897	CXCL12	chr10:44865604-44880545	0	0	0	1
XLOC_002901	RSU1P2	chr10:45594923-45650044	0	0	0	1
XLOC_002904	ZFAND4	chr10:46111038-46168251	0	0	0	1
XLOC_002906	PTPN20A,PTPN2	chr10:46550122-46641003	0	0	0	1
XLOC_002912	FAM25C	chr10:47177221-47181688	0	0	0	1
XLOC_002913	AGAP9	chr10:47191843-47213626	0	0	0	1
XLOC_002917	GDF10	chr10:48425787-48439138	0	0	0	1
XLOC_002918	PTPN20A,PTPN2	chr10:48737041-48827924	0	0	0	1
XLOC_002919	FRMPD2P1	chr10:48844035-48862688	0	0	0	1
XLOC_002921	FAM25C	chr10:49203372-49207825	0	0	0	1
XLOC_002923	FRMPD2	chr10:49364600-49482941	0	0	0	1
XLOC_002925	LRRC18	chr10:49893517-50191001	0	0	0	1
XLOC_002926	MIR4294	chr10:50193556-50193632	0	0	0	1
XLOC_002928	FAM170B	chr10:50329883-50359592	0	0	0	1
XLOC_002929	C10orf128	chr10:50363890-50396407	0	0	0	1
XLOC_002930	DRGX	chr10:50574160-50604062	0	0	0	1
XLOC_002932	OGDHL	chr10:50942686-50970425	0	0	0	1
XLOC_002942	PRKG1-AS1	chr10:52750910-54073888	0	0	0	1
XLOC_002943	MBL2	chr10:54525139-54531460	0	0	0	1
XLOC_002944	PCDH15	chr10:55562532-56561051	0	0	0	1
XLOC_002946	MIR3924	chr10:59064238-59064319	0	0	0	1
XLOC_002948	FAM13C	chr10:60936347-61122661	0	0	0	1
XLOC_002950	M1	chr10:61496747-61513203	0	0	0	1
XLOC_002952	C10orf40	chr10:61717974-61720671	0	0	0	1
XLOC_002955	TMEM26	chr10:63166400-63213208	0	0	0	1
XLOC_002959	MIR1296	chr10:64926987-65226322	0	0	0	1
XLOC_002960	CTNNA3	chr10:67679724-69455949	0	0	0	1
XLOC_002969	NEUROG3	chr10:71331790-71333210	0	0	0	1
XLOC_002974	NPFFR1	chr10:72014712-72043450	0	0	0	1
XLOC_002978	TBATA	chr10:72530994-72545157	0	0	0	1
XLOC_002982	C10orf54	chr10:73156690-73575704	0	0	0	1
XLOC_002987	MIR1256	chr10:74119697-74385949	0	0	0	1
XLOC_002989	PLA2G12B	chr10:74694937-74714510	0	0	0	1
XLOC_003008	DUPD1	chr10:76797593-76818272	0	0	0	1
XLOC_003017	SFTPA2	chr10:81315607-81320163	0	0	0	1
XLOC_003018	SFTPD	chr10:81697495-81708861	0	0	0	1
XLOC_003022	DYDC1	chr10:82095860-82127829	0	0	0	1
XLOC_003023	LRIT2	chr10:85980248-85985284	0	0	0	1
XLOC_003024	LRIT1	chr10:85991275-86001217	0	0	0	1
XLOC_003026	MIR346	chr10:87337487-88126250	0	0	0	1
XLOC_003031	LOC728218	chr10:89156330-89167457	0	0	0	1
XLOC_003034	RNLS	chr10:90033620-90343082	0	0	0	1
XLOC_003035	ANKRD22	chr10:90562486-90611732	0	0	0	1
XLOC_003038	MIR4679-2	chr10:90823091-90823168	0	0	0	1
XLOC_003039	CH25H	chr10:90965693-90967071	0	0	0	1
XLOC_003041	SLC16A12	chr10:91190050-91295313	0	0	0	1
XLOC_003043	MIR107	chr10:91339253-91405329	0	0	0	1
XLOC_003045	HTR7	chr10:92500575-92617671	0	0	0	1

XLOC_003049	PPP1R3C	chr10:93388196-93392858	0	0	0	1
XLOC_003054	RBP4	chr10:95351592-95360993	0	0	0	1
XLOC_003057	LOC100128054	chr10:95753745-96088148	0	0	0	1
XLOC_003059	CYP2C8	chr10:96796528-96829254	0	0	0	1
XLOC_003060	PDLIM1	chr10:96997324-97050905	0	0	0	1
XLOC_003065	MIR3157	chr10:97471535-97849992	0	0	0	1
XLOC_003066	BLNK	chr10:97951454-98031333	0	0	0	1
XLOC_003067	OPALIN	chr10:98102974-98119092	0	0	0	1
XLOC_003078	SFRP5	chr10:99526507-99531756	0	0	0	1
XLOC_003083	MIR4685	chr10:100175954-100206704	0	0	0	1
XLOC_003084	HPSE2	chr10:100216833-100995632	0	0	0	1
XLOC_003089	CPN1	chr10:101802064-101841642	0	0	0	1
XLOC_003095	PKD2L1	chr10:102047902-102090243	0	0	0	1
XLOC_003100	TLX1NB	chr10:102849077-102890903	0	0	0	1
XLOC_003101	LBX1	chr10:102986732-102988717	0	0	0	1
XLOC_003103	MIR3158-2	chr10:103348088-103369410	0	0	0	1
XLOC_003111	PITX3	chr10:103989945-104001231	0	0	0	1
XLOC_003128	MIR609	chr10:105889645-105992120	0	0	0	1
XLOC_003129	MIR4482-1	chr10:106028093-106028163	0	0	0	1
XLOC_003131	SORCS1	chr10:108333420-108924466	0	0	0	1
XLOC_003139	GUCY2GP	chr10:114067935-114116353	0	0	0	1
XLOC_003142	MIR4483	chr10:115511212-115542192	0	0	0	1
XLOC_003145	AFAP1L2	chr10:116054582-116164515	0	0	0	1
XLOC_003147	GFRA1	chr10:117816441-118033126	0	0	0	1
XLOC_003151	VAX1	chr10:118888031-118897812	0	0	0	1
XLOC_003152	MIR3663	chr10:118927188-118927285	0	0	0	1
XLOC_003157	PRLHR	chr10:120352915-120355160	0	0	0	1
XLOC_003160	SNORA19	chr10:120794540-120840334	0	0	0	1
XLOC_003170	C10orf120	chr10:124457224-124459338	0	0	0	1
XLOC_003177	NKX1-2	chr10:126135997-126138550	0	0	0	1
XLOC_003181	MIR4296	chr10:126676417-126849624	0	0	0	1
XLOC_003182	TEX36	chr10:127344262-127371713	0	0	0	1
XLOC_003184	MMP21	chr10:127455026-127464390	0	0	0	1
XLOC_003188	LINC00601	chr10:128102437-128110448	0	0	0	1
XLOC_003189	C10orf90	chr10:128113573-128210010	0	0	0	1
XLOC_003191	CLRN3	chr10:129676113-129691211	0	0	0	1
XLOC_003194	MIR4297	chr10:131633495-131762091	0	0	0	1
XLOC_003196	MIR378C	chr10:132760850-132760931	0	0	0	1
XLOC_003201	NKX6-2	chr10:134598319-134599537	0	0	0	1
XLOC_003202	TTC40	chr10:134621895-134756089	0	0	0	1
XLOC_003203	MIR202	chr10:135061014-135061124	0	0	0	1
XLOC_003206	CALY	chr10:135138927-135150475	0	0	0	1
XLOC_003207	FUOM	chr10:135168657-135171529	0	0	0	1
XLOC_003209	MIR3944	chr10:135175986-135186908	0	0	0	1
XLOC_003212	FRG2B	chr10:135438602-135440299	0	0	0	1
XLOC_003213	SCGB1C1	chr11:193079-194573	0	0	0	1
XLOC_003214	ODF3	chr11:196760-200258	0	0	0	1
XLOC_003239	MUC2	chr11:1074874-1104417	0	0	0	1
XLOC_003244	KRTAP5-5	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1

XLOC_003245	FAM99A	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003246	KRTAP5-6	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003247	SYT8	chr11:1855673-1858750	0	0	0	1
XLOC_003250	TNNT3	chr11:1940798-1959936	0	0	0	1
XLOC_003252	IGF2-AS	chr11:2150341-2182439	0	0	0	1
XLOC_003253	MIR4686	chr11:2194292-2194368	0	0	0	1
XLOC_003254	TSPAN32	chr11:2323242-2339430	0	0	0	1
XLOC_003258	KCNQ1DN	chr11:2891262-2893336	0	0	0	1
XLOC_003260	MRGPRG-AS1	chr11:3239173-3244361	0	0	0	1
XLOC_003262	TRPC2	chr11:3647689-3658789	0	0	0	1
XLOC_003263	ART1	chr11:3666360-3685646	0	0	0	1
XLOC_003268	OR52K2	chr11:4470524-4471591	0	0	0	1
XLOC_003269	OR52K1	chr11:4510108-4511138	0	0	0	1
XLOC_003270	OR52M1	chr11:4566420-4567374	0	0	0	1
XLOC_003271	OR52I2	chr11:4608020-4609135	0	0	0	1
XLOC_003272	OR52I1	chr11:4615268-4616243	0	0	0	1
XLOC_003273	OR51D1	chr11:4660944-4662068	0	0	0	1
XLOC_003274	OR51E1	chr11:4665155-4676716	0	0	0	1
XLOC_003275	OR51F2	chr11:4842615-4843644	0	0	0	1
XLOC_003276	OR51T1	chr11:4903048-4904113	0	0	0	1
XLOC_003277	OR51A7	chr11:4928599-4929538	0	0	0	1
XLOC_003278	MMP26	chr11:5009423-5013659	0	0	0	1
XLOC_003279	OR51L1	chr11:5020212-5021160	0	0	0	1
XLOC_003280	OR52J3	chr11:5067755-5068691	0	0	0	1
XLOC_003281	OR51B6	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_003282	OR51M1	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_003283	OR51Q1	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_003286	OR52B6	chr11:5602106-5603114	0	0	0	1
XLOC_003289	OR56B1	chr11:5757677-5758768	0	0	0	1
XLOC_003290	OR52N4	chr11:5775922-5776959	0	0	0	1
XLOC_003291	OR52N2	chr11:5841565-5842531	0	0	0	1
XLOC_003292	OR52E4	chr11:5905522-5906461	0	0	0	1
XLOC_003293	OR56A3	chr11:5968576-5969524	0	0	0	1
XLOC_003294	OR56B4	chr11:6129008-6129968	0	0	0	1
XLOC_003295	OR52W1	chr11:6220453-6221416	0	0	0	1
XLOC_003296	C11orf42	chr11:6226797-6232365	0	0	0	1
XLOC_003298	CCKBR	chr11:6280903-6293357	0	0	0	1
XLOC_003304	OR10A5	chr11:6866913-6867867	0	0	0	1
XLOC_003306	OR10A4	chr11:6897855-6898850	0	0	0	1
XLOC_003311	SYT9	chr11:7273180-7490276	0	0	0	1
XLOC_003314	OR5E1P	chr11:7870597-7871118	0	0	0	1
XLOC_003316	TUB	chr11:8060179-8190590	0	0	0	1
XLOC_003322	KRT8P41	chr11:9115909-9117737	0	0	0	1
XLOC_003339	RASSF10	chr11:13030969-13033653	0	0	0	1
XLOC_003350	MYOD1	chr11:17741109-17743678	0	0	0	1
XLOC_003353	MRGPRX4	chr11:18194383-18195827	0	0	0	1
XLOC_003364	MIR4486	chr11:19372270-20143147	0	0	0	1
XLOC_003367	SLC6A5	chr11:20620945-20676610	0	0	0	1
XLOC_003368	NELL1	chr11:20691116-21597229	0	0	0	1

XLOC_003369	ANO5	chr11:22214721-22304913	0	0	0	1
XLOC_003370	SLC17A6	chr11:22359666-22401046	0	0	0	1
XLOC_003372	LUZP2	chr11:24518515-25104186	0	0	0	1
XLOC_003373	ANO3	chr11:26353677-26684836	0	0	0	1
XLOC_003374	FIBIN	chr11:27015627-27018632	0	0	0	1
XLOC_003377	MIR610	chr11:28042162-28129746	0	0	0	1
XLOC_003383	DKFZp686K1684	chr11:31806339-31908587	0	0	0	1
XLOC_003385	WT1-AS	chr11:32457284-32461620	0	0	0	1
XLOC_003398	EHF	chr11:34642587-34684834	0	0	0	1
XLOC_003400	MIR1343	chr11:34903842-35017675	0	0	0	1
XLOC_003405	MIR3973	chr11:35965611-36252841	0	0	0	1
XLOC_003411	MIR670	chr11:43581205-43581303	0	0	0	1
XLOC_003412	MIR129-2	chr11:43602943-43603033	0	0	0	1
XLOC_003422	LOC221122	chr11:44995452-44999578	0	0	0	1
XLOC_003424	LOC100507384	chr11:45743857-45746106	0	0	0	1
XLOC_003432	MIR4688	chr11:46354454-46402104	0	0	0	1
XLOC_003434	MIR3160-2	chr11:46417961-46615619	0	0	0	1
XLOC_003448	OR4B1	chr11:48238361-48239291	0	0	0	1
XLOC_003449	OR4X2	chr11:48266655-48267567	0	0	0	1
XLOC_003450	OR4X1	chr11:48285412-48286330	0	0	0	1
XLOC_003451	OR4S1	chr11:48327774-48328704	0	0	0	1
XLOC_003452	OR4C3	chr11:48346492-48347482	0	0	0	1
XLOC_003453	OR4A47	chr11:48510344-48511274	0	0	0	1
XLOC_003454	TRIM49B	chr11:49053151-49059529	0	0	0	1
XLOC_003455	LOC440040	chr11:49580079-49831969	0	0	0	1
XLOC_003456	OR4C13	chr11:49973942-49974971	0	0	0	1
XLOC_003457	LOC646813	chr11:50368317-50379802	0	0	0	1
XLOC_003458	OR4C46	chr11:51515281-51516211	0	0	0	1
XLOC_003459	TRIM48	chr11:55029657-55038595	0	0	0	1
XLOC_003460	OR4A16	chr11:55110676-55111663	0	0	0	1
XLOC_003461	OR4A15	chr11:55135359-55136394	0	0	0	1
XLOC_003462	OR4C15	chr11:55321782-55322895	0	0	0	1
XLOC_003463	OR4C16	chr11:55339603-55340536	0	0	0	1
XLOC_003464	OR4P4	chr11:55405833-55406772	0	0	0	1
XLOC_003465	OR4S2	chr11:55418379-55419315	0	0	0	1
XLOC_003466	OR4C6	chr11:55432642-55433572	0	0	0	1
XLOC_003467	OR5D13	chr11:55540913-55541858	0	0	0	1
XLOC_003468	OR5D14	chr11:55563031-55563976	0	0	0	1
XLOC_003469	OR5L1	chr11:55578942-55579878	0	0	0	1
XLOC_003470	OR5D18	chr11:55587105-55588047	0	0	0	1
XLOC_003471	OR5L2	chr11:55594694-55595630	0	0	0	1
XLOC_003472	OR5D16	chr11:55606227-55607214	0	0	0	1
XLOC_003473	TRIM51	chr11:55650772-55659284	0	0	0	1
XLOC_003474	OR5AS1	chr11:55797894-55798869	0	0	0	1
XLOC_003475	OR8I2	chr11:55860783-55861716	0	0	0	1
XLOC_003476	OR8H2	chr11:55872518-55873457	0	0	0	1
XLOC_003477	OR8H3	chr11:55889848-55890787	0	0	0	1
XLOC_003478	OR5J2	chr11:55944093-55945032	0	0	0	1
XLOC_003479	OR5T3	chr11:56019675-56020698	0	0	0	1

XLOC_003480	OR5T1	chr11:56043114-56044095	0	0	0	1
XLOC_003481	OR8K3	chr11:56085782-56086721	0	0	0	1
XLOC_003482	OR8K1	chr11:56113514-56114474	0	0	0	1
XLOC_003483	OR8J1	chr11:56127690-56128764	0	0	0	1
XLOC_003484	OR8U1,OR8U8	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_003485	OR5AR1	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_003486	OR9G9	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_003487	OR5AK2	chr11:56756388-56757318	0	0	0	1
XLOC_003488	OR5AK4P	chr11:56805008-56805935	0	0	0	1
XLOC_003489	LRRC55	chr11:56949220-56959188	0	0	0	1
XLOC_003490	P2RX3	chr11:57105840-57137549	0	0	0	1
XLOC_003494	MIR130A	chr11:57408670-57408759	0	0	0	1
XLOC_003499	OR9Q1	chr11:57791352-57949038	0	0	0	1
XLOC_003500	OR6Q1	chr11:57791352-57949038	0	0	0	1
XLOC_003501	OR9Q2	chr11:57957905-57958990	0	0	0	1
XLOC_003502	OR1S1	chr11:57982216-57983194	0	0	0	1
XLOC_003504	GLYATL1	chr11:58695101-58825925	0	0	0	1
XLOC_003508	OR5AN1	chr11:59131931-59132867	0	0	0	1
XLOC_003509	OR5A1	chr11:59210641-59211589	0	0	0	1
XLOC_003510	OR4D6	chr11:59224433-59225378	0	0	0	1
XLOC_003511	OR4D10	chr11:59244902-59245838	0	0	0	1
XLOC_003512	OR4D11	chr11:59271048-59271984	0	0	0	1
XLOC_003513	OR4D9	chr11:59282385-59283330	0	0	0	1
XLOC_003516	PLAC1L	chr11:59807747-59815516	0	0	0	1
XLOC_003517	MS4A3	chr11:59824100-59838588	0	0	0	1
XLOC_003518	MS4A2	chr11:59856136-59865940	0	0	0	1
XLOC_003519	MS4A4A	chr11:60048013-60076445	0	0	0	1
XLOC_003520	MS4A6E	chr11:60102354-60108441	0	0	0	1
XLOC_003523	MS4A5	chr11:60197061-60215265	0	0	0	1
XLOC_003524	MS4A1	chr11:60223281-60238225	0	0	0	1
XLOC_003525	MS4A12	chr11:60260250-60274901	0	0	0	1
XLOC_003526	MS4A13	chr11:60282885-60310191	0	0	0	1
XLOC_003527	LINC00301	chr11:60383223-60454621	0	0	0	1
XLOC_003528	MS4A8B	chr11:60467046-60483285	0	0	0	1
XLOC_003529	MS4A15	chr11:60524339-60544204	0	0	0	1
XLOC_003530	MS4A10	chr11:60552820-60568778	0	0	0	1
XLOC_003537	PGA3	chr11:60970983-60980350	0	0	0	1
XLOC_003538	PGA4	chr11:60989820-60999179	0	0	0	1
XLOC_003539	PGA5	chr11:61008643-61018929	0	0	0	1
XLOC_003545	MIR4488	chr11:61276067-61276129	0	0	0	1
XLOC_003546	LRRC10B	chr11:61276271-61278490	0	0	0	1
XLOC_003554	SCGB1D1	chr11:61957709-61961009	0	0	0	1
XLOC_003555	SCGB2A1	chr11:61976139-61981411	0	0	0	1
XLOC_003556	SCGB1D2	chr11:62009723-62012280	0	0	0	1
XLOC_003557	SCGB2A2	chr11:62037629-62040628	0	0	0	1
XLOC_003559	SCGB1A1	chr11:62186506-62190678	0	0	0	1
XLOC_003572	LGALS12	chr11:63014620-63330855	0	0	0	1
XLOC_003595	MIR1237	chr11:64126624-64139687	0	0	0	1
XLOC_003598	SLC22A12	chr11:64358281-64369825	0	0	0	1

XLOC_003605	SPDYC	chr11:64937706-64940688	0	0	0	1
XLOC_003616	MIR548AR	chr11:65282807-65282828	0	0	0	1
XLOC_003622	MIR4690	chr11:65383782-65404910	0	0	0	1
XLOC_003624	MIR4489	chr11:65405577-65418391	0	0	0	1
XLOC_003629	CTSW	chr11:65647283-65656010	0	0	0	1
XLOC_003642	NPAS4	chr11:66188474-66194177	0	0	0	1
XLOC_003651	C11orf86	chr11:66742753-66744479	0	0	0	1
XLOC_003660	TBC1D10C	chr11:67171383-67177561	0	0	0	1
XLOC_003669	MIR4691	chr11:67798083-67804114	0	0	0	1
XLOC_003678	ANO1	chr11:69924407-70035652	0	0	0	1
XLOC_003681	MIR548K	chr11:70116805-70230607	0	0	0	1
XLOC_003684	SHANK2-AS3	chr11:70313960-70935808	0	0	0	1
XLOC_003691	DEFB108B	chr11:71544245-71548608	0	0	0	1
XLOC_003692	LOC100129216	chr11:71576554-71639493	0	0	0	1
XLOC_003697	FOLR1	chr11:71900601-71907367	0	0	0	1
XLOC_003698	FOLR2	chr11:71927818-71932994	0	0	0	1
XLOC_003700	MIR4692	chr11:72465773-72504750	0	0	0	1
XLOC_003715	SLCO2B1	chr11:74862031-74917445	0	0	0	1
XLOC_003716	TPBGL	chr11:74951949-74954749	0	0	0	1
XLOC_003721	MOGAT2	chr11:75428933-75442331	0	0	0	1
XLOC_003733	THRSP	chr11:77726760-77850699	0	0	0	1
XLOC_003741	CCDC83	chr11:85566143-85631051	0	0	0	1
XLOC_003748	GRM5-AS1	chr11:88237743-88796816	0	0	0	1
XLOC_003749	TYR	chr11:88911039-89028927	0	0	0	1
XLOC_003750	FOLH1B	chr11:89392464-89431886	0	0	0	1
XLOC_003751	TRIM77	chr11:89443466-89451040	0	0	0	1
XLOC_003752	MIR5692A1	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_003753	TRIM53AP	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_003754	TRIM49D1P,TRIM	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_003755	TRIM64	chr11:89701671-89707240	0	0	0	1
XLOC_003756	TRIM49C	chr11:89764273-89775193	0	0	0	1
XLOC_003757	UBTFL1	chr11:89819117-89820299	0	0	0	1
XLOC_003759	FAT3	chr11:92085261-92629635	0	0	0	1
XLOC_003760	MTNR1B	chr11:92702788-92715948	0	0	0	1
XLOC_003761	CCDC67	chr11:93063882-93171636	0	0	0	1
XLOC_003770	LOC643037	chr11:94245694-94265289	0	0	0	1
XLOC_003775	KDM4E	chr11:94758421-94760760	0	0	0	1
XLOC_003779	MIR1260B	chr11:95711439-96076344	0	0	0	1
XLOC_003781	CNTN5	chr11:98891705-100229616	0	0	0	1
XLOC_003784	LOC101054525	chr11:100900354-101030001	0	0	0	1
XLOC_003790	WTAPP1	chr11:102654406-102714342	0	0	0	1
XLOC_003792	MIR4693	chr11:103720633-103720708	0	0	0	1
XLOC_003793	DDI1	chr11:103777913-104035027	0	0	0	1
XLOC_003797	LOC643923	chr11:107461816-107537505	0	0	0	1
XLOC_003798	RAB39A	chr11:107799276-107834208	0	0	0	1
XLOC_003803	C11orf87	chr11:109292845-109299893	0	0	0	1
XLOC_003808	MIR4491	chr11:111218481-111218547	0	0	0	1
XLOC_003809	MIR34B	chr11:111383662-111383746	0	0	0	1
XLOC_003810	MIR34C	chr11:111384163-111384240	0	0	0	1

XLOC_003812	LAYN	chr11:111411232-111432470	0	0	0	1
XLOC_003826	CLDN25	chr11:113650517-113651207	0	0	0	1
XLOC_003827	HTR3B	chr11:113775517-113817283	0	0	0	1
XLOC_003828	HTR3A	chr11:113845796-113861034	0	0	0	1
XLOC_003829	ZBTB16	chr11:113930430-114121397	0	0	0	1
XLOC_003833	NXPE2	chr11:114549199-114577652	0	0	0	1
XLOC_003834	APOC3	chr11:116700623-116703787	0	0	0	1
XLOC_003842	TMPRSS4	chr11:117886486-117990556	0	0	0	1
XLOC_003843	CD3E	chr11:118175294-118186890	0	0	0	1
XLOC_003844	CD3G	chr11:118215058-118224497	0	0	0	1
XLOC_003853	MIR4492	chr11:118754474-118781613	0	0	0	1
XLOC_003855	FOXR1	chr11:118842416-118851995	0	0	0	1
XLOC_003872	GRIK4	chr11:120531027-120856969	0	0	0	1
XLOC_003876	SORL1	chr11:121322911-121504471	0	0	0	1
XLOC_003878	CRTAM	chr11:122709254-122743347	0	0	0	1
XLOC_003880	LOC341056	chr11:122888273-122890319	0	0	0	1
XLOC_003882	OR8D4	chr11:123777138-123778083	0	0	0	1
XLOC_003883	OR4D5	chr11:123810323-123811280	0	0	0	1
XLOC_003884	OR10G4	chr11:123886281-123887217	0	0	0	1
XLOC_003885	OR10G9	chr11:123893719-123894655	0	0	0	1
XLOC_003886	OR10G8	chr11:123900329-123901265	0	0	0	1
XLOC_003888	OR8G2	chr11:124095397-124096312	0	0	0	1
XLOC_003889	OR8G1,OR8G5	chr11:124120422-124135763	0	0	0	1
XLOC_003890	OR8A1	chr11:124439964-124440945	0	0	0	1
XLOC_003891	PANX3	chr11:124481452-124490251	0	0	0	1
XLOC_003896	HEPN1	chr11:124789145-124806308	0	0	0	1
XLOC_003899	PKNOX2	chr11:125034558-125303285	0	0	0	1
XLOC_003903	PATE1	chr11:125616187-125619743	0	0	0	1
XLOC_003904	PATE3	chr11:125658005-125661495	0	0	0	1
XLOC_003913	KIRREL3-AS2	chr11:126293395-126870766	0	0	0	1
XLOC_003914	KIRREL3-AS3	chr11:126872804-126875953	0	0	0	1
XLOC_003923	C11orf44	chr11:130542850-130587247	0	0	0	1
XLOC_003924	NTM	chr11:131240370-132206716	0	0	0	1
XLOC_003925	LOC100128239	chr11:133902166-133911236	0	0	0	1
XLOC_003935	IFITM5	chr11:298200-299526	0	0	0	1
XLOC_003961	KRTAP5-3	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003962	KRTAP5-4	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003963	FAM99B	chr11:1490684-1785501	0	0	0	1
XLOC_003966	MIR4298	chr11:1874199-1913493	0	0	0	1
XLOC_003970	MIR483	chr11:2150341-2182439	0	0	0	1
XLOC_003971	TH	chr11:2185158-2193035	0	0	0	1
XLOC_003972	ASCL2	chr11:2289727-2292182	0	0	0	1
XLOC_003973	C11orf21	chr11:2317506-2323143	0	0	0	1
XLOC_003983	MRGPRG	chr11:3239173-3244361	0	0	0	1
XLOC_003984	MRGPRE	chr11:3249040-3253616	0	0	0	1
XLOC_003991	OR52B4	chr11:4388492-4389616	0	0	0	1
XLOC_003993	C11orf40	chr11:4592652-4599050	0	0	0	1
XLOC_003995	OR51E2	chr11:4701400-4719076	0	0	0	1
XLOC_003996	OR51F1	chr11:4790208-4791147	0	0	0	1

XLOC_003997	OR52R1	chr11:4824662-4825610	0	0	0	1
XLOC_003998	OR51S1	chr11:4869466-4870438	0	0	0	1
XLOC_003999	OR51G2	chr11:4935948-4936893	0	0	0	1
XLOC_004000	OR51G1	chr11:4944603-4945569	0	0	0	1
XLOC_004001	OR51A4	chr11:4967388-4968330	0	0	0	1
XLOC_004002	OR51A2	chr11:4976001-4976943	0	0	0	1
XLOC_004003	OR52E2	chr11:5079879-5080857	0	0	0	1
XLOC_004004	OR52A5	chr11:5152921-5153872	0	0	0	1
XLOC_004005	OR52A1	chr11:5172660-5173599	0	0	0	1
XLOC_004006	OR51V1	chr11:5220964-5221930	0	0	0	1
XLOC_004007	HBB	chr11:5246695-5248301	0	0	0	1
XLOC_004008	HBD	chr11:5254058-5255858	0	0	0	1
XLOC_004014	OR51B2	chr11:5344527-5345582	0	0	0	1
XLOC_004016	OR51I1	chr11:5362112-5526882	0	0	0	1
XLOC_004017	UBQLN3	chr11:5528529-5531153	0	0	0	1
XLOC_004018	UBQLNL	chr11:5535622-5537956	0	0	0	1
XLOC_004019	OR52H1	chr11:5565790-5566753	0	0	0	1
XLOC_004021	OR52N5	chr11:5798863-5799897	0	0	0	1
XLOC_004022	OR52N1	chr11:5809083-5810046	0	0	0	1
XLOC_004023	OR52E6	chr11:5862185-5863127	0	0	0	1
XLOC_004024	OR52E8	chr11:5877978-5878932	0	0	0	1
XLOC_004025	OR56A5	chr11:5988782-5989724	0	0	0	1
XLOC_004026	OR52L1	chr11:6007121-6008215	0	0	0	1
XLOC_004027	OR56A4	chr11:6023280-6024378	0	0	0	1
XLOC_004028	OR56A1	chr11:6047900-6048971	0	0	0	1
XLOC_004029	OR52B2	chr11:6190584-6191556	0	0	0	1
XLOC_004042	OR2AG2	chr11:6789237-6790188	0	0	0	1
XLOC_004043	OR6A2	chr11:6815755-6817139	0	0	0	1
XLOC_004046	CYB5R2	chr11:7686325-7694821	0	0	0	1
XLOC_004047	OVCH2	chr11:7710668-7727941	0	0	0	1
XLOC_004048	OR5P2	chr11:7817520-7818489	0	0	0	1
XLOC_004049	OR5P3	chr11:7846583-7847519	0	0	0	1
XLOC_004050	LOC283299	chr11:7872297-7927502	0	0	0	1
XLOC_004051	OR10A6	chr11:7949264-7950209	0	0	0	1
XLOC_004052	OR10A3	chr11:7960122-7961067	0	0	0	1
XLOC_004053	NLRP10	chr11:7981155-7985059	0	0	0	1
XLOC_004054	RIC3	chr11:8060179-8190590	0	0	0	1
XLOC_004055	LMO1	chr11:8245850-8290182	0	0	0	1
XLOC_004064	MIR5691	chr11:9041046-9113150	0	0	0	1
XLOC_004072	LYVE1	chr11:10562782-10715535	0	0	0	1
XLOC_004073	MRVI1	chr11:10562782-10715535	0	0	0	1
XLOC_004079	MIR4299	chr11:11678197-11678269	0	0	0	1
XLOC_004083	PTH	chr11:13513600-13517567	0	0	0	1
XLOC_004088	CALCA	chr11:14988214-14993832	0	0	0	1
XLOC_004094	ABCC8	chr11:17414431-17498449	0	0	0	1
XLOC_004099	SAA3P	chr11:18134018-18137679	0	0	0	1
XLOC_004100	SAA2,SAA2-SAA4	chr11:18252901-18270221	0	0	0	1
XLOC_004106	PTPN5	chr11:18749474-18813389	0	0	0	1
XLOC_004107	MRGPRX1	chr11:18955359-18956549	0	0	0	1

XLOC_004108	MRGPRX2	chr11:19076002-19082228	0	0	0	1
XLOC_004109	CSRP3	chr11:19203576-19232118	0	0	0	1
XLOC_004111	NAV2-AS5	chr11:19372270-20143147	0	0	0	1
XLOC_004112	NAV2-AS4	chr11:19372270-20143147	0	0	0	1
XLOC_004114	MIR4694	chr11:19372270-20143147	0	0	0	1
XLOC_004115	DBX1	chr11:20177759-20181870	0	0	0	1
XLOC_004118	CCDC179	chr11:22868467-22881972	0	0	0	1
XLOC_004126	KCNA4	chr11:30031287-30038577	0	0	0	1
XLOC_004129	DCDC1	chr11:31284170-31391357	0	0	0	1
XLOC_004132	WT1	chr11:32409321-32457081	0	0	0	1
XLOC_004142	SLC1A2	chr11:35272751-35441610	0	0	0	1
XLOC_004147	LRRRC4C	chr11:40135750-41481186	0	0	0	1
XLOC_004148	LOC100507205	chr11:42209292-42275240	0	0	0	1
XLOC_004149	HNRNPKP3	chr11:43283053-43290919	0	0	0	1
XLOC_004155	C11orf94	chr11:45928085-45928833	0	0	0	1
XLOC_004160	MIR3160-1	chr11:46417961-46615619	0	0	0	1
XLOC_004164	MIR5582	chr11:46765083-46867859	0	0	0	1
XLOC_004170	MYBPC3	chr11:47352956-47374253	0	0	0	1
XLOC_004181	OR4C45	chr11:48366899-48373999	0	0	0	1
XLOC_004182	TRIM64C	chr11:49075265-49080664	0	0	0	1
XLOC_004183	FOLH1	chr11:49168186-49230222	0	0	0	1
XLOC_004184	OR4C12	chr11:50003008-50004071	0	0	0	1
XLOC_004185	LOC441601	chr11:50238998-50257633	0	0	0	1
XLOC_004186	OR4A5	chr11:51411377-51412448	0	0	0	1
XLOC_004187	TRIM51HP	chr11:55061178-55065708	0	0	0	1
XLOC_004188	OR4C11	chr11:55370829-55371874	0	0	0	1
XLOC_004189	OR5W2	chr11:55681125-55682058	0	0	0	1
XLOC_004190	OR5I1	chr11:55702931-55703876	0	0	0	1
XLOC_004191	OR10AG1	chr11:55735033-55735939	0	0	0	1
XLOC_004192	OR7E5P	chr11:55746178-55753881	0	0	0	1
XLOC_004193	OR5F1	chr11:55761156-55762101	0	0	0	1
XLOC_004194	OR8J3	chr11:55904246-55905194	0	0	0	1
XLOC_004195	OR8K5	chr11:55926869-55927793	0	0	0	1
XLOC_004196	OR5T2	chr11:55999581-56000661	0	0	0	1
XLOC_004197	OR8H1	chr11:56057602-56058538	0	0	0	1
XLOC_004198	OR5R1	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004199	OR5M9	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004200	OR5M3	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004201	OR5M8	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004202	OR5M11	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004203	OR5M10	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004204	OR5M1	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004205	OR5AP2	chr11:56143099-56508560	0	0	0	1
XLOC_004206	OR9G4	chr11:56510303-56511287	0	0	0	1
XLOC_004207	APLNR	chr11:57001051-57004927	0	0	0	1
XLOC_004210	PRG3	chr11:57144241-57148623	0	0	0	1
XLOC_004219	OR9I1	chr11:57791352-57949038	0	0	0	1
XLOC_004220	OR1S2	chr11:57970675-57971653	0	0	0	1
XLOC_004221	OR10Q1	chr11:57995353-57996390	0	0	0	1

XLOC_004222	OR10W1	chr11:58034263-58035732	0	0	0	1
XLOC_004223	OR5B17	chr11:58125597-58126542	0	0	0	1
XLOC_004224	OR5B3	chr11:58169937-58170882	0	0	0	1
XLOC_004225	OR5B2	chr11:58189737-58190786	0	0	0	1
XLOC_004226	OR5B12	chr11:58206592-58207646	0	0	0	1
XLOC_004227	OR5B21	chr11:58274648-58275578	0	0	0	1
XLOC_004229	GLYAT	chr11:58476229-58499447	0	0	0	1
XLOC_004230	GLYATL2	chr11:58601539-58611997	0	0	0	1
XLOC_004231	LOC283194	chr11:58695101-58825925	0	0	0	1
XLOC_004232	MPEG1	chr11:58939811-58980494	0	0	0	1
XLOC_004233	OR5A2	chr11:59189451-59190426	0	0	0	1
XLOC_004235	MIR3162	chr11:59341870-59383617	0	0	0	1
XLOC_004237	OR10V1	chr11:59480388-59481318	0	0	0	1
XLOC_004239	GIF	chr11:59596745-59612974	0	0	0	1
XLOC_004240	TCN1	chr11:59620280-59634041	0	0	0	1
XLOC_004241	MS4A6A	chr11:59939079-59952139	0	0	0	1
XLOC_004254	MIR1908	chr11:61567096-61584529	0	0	0	1
XLOC_004258	SCGB1D4	chr11:62063753-62066536	0	0	0	1
XLOC_004279	SNORD30	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004280	SNORD29	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004283	SNORD26	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004284	SNORD25	chr11:62619459-62623360	0	0	0	1
XLOC_004286	SLC22A6	chr11:62744068-62752495	0	0	0	1
XLOC_004287	SLC22A8	chr11:62760295-62783317	0	0	0	1
XLOC_004288	SLC22A24	chr11:62847411-62911693	0	0	0	1
XLOC_004289	SLC22A25	chr11:62931295-62997124	0	0	0	1
XLOC_004290	MIR3680-2	chr11:63014620-63330855	0	0	0	1
XLOC_004291	HRASLS5	chr11:63014620-63330855	0	0	0	1
XLOC_004310	MIR192	chr11:64658608-64658718	0	0	0	1
XLOC_004311	MIR194-2	chr11:64658826-64658911	0	0	0	1
XLOC_004313	GPHA2	chr11:64692142-64703360	0	0	0	1
XLOC_004314	C11orf85	chr11:64705928-64727609	0	0	0	1
XLOC_004318	LOC100130348	chr11:64851693-64856542	0	0	0	1
XLOC_004339	CD248	chr11:66081957-66084515	0	0	0	1
XLOC_004346	CTSF	chr11:66330934-66336047	0	0	0	1
XLOC_004356	GPR152	chr11:67218771-67220200	0	0	0	1
XLOC_004360	CABP2	chr11:67286417-67290899	0	0	0	1
XLOC_004374	MRGPRD	chr11:68747489-68748455	0	0	0	1
XLOC_004375	MRGPRF	chr11:68771861-68780850	0	0	0	1
XLOC_004377	FGF19	chr11:69513005-69519106	0	0	0	1
XLOC_004378	FGF4	chr11:69587796-69590171	0	0	0	1
XLOC_004379	FGF3	chr11:69624735-69634192	0	0	0	1
XLOC_004381	MIR3664	chr11:70313960-70935808	0	0	0	1
XLOC_004384	KRTAP5-11	chr11:71292900-71293921	0	0	0	1
XLOC_004388	MIR3165	chr11:71709957-71823822	0	0	0	1
XLOC_004394	MIR139	chr11:72287183-72385497	0	0	0	1
XLOC_004406	KCNE3	chr11:74165885-74178600	0	0	0	1
XLOC_004408	CHRD2	chr11:74407473-74442186	0	0	0	1
XLOC_004409	MIR4696	chr11:74407473-74442186	0	0	0	1

XLOC_004411	OR2AT4	chr11:74799795-74800758	0	0	0	1
XLOC_004413	MIR326	chr11:74971165-75062875	0	0	0	1
XLOC_004417	LOC283214	chr11:75469499-75479692	0	0	0	1
XLOC_004420	LRRRC32	chr11:76368567-76381791	0	0	0	1
XLOC_004421	GUCY2EP	chr11:76391209-76432833	0	0	0	1
XLOC_004422	GDPD4	chr11:76927602-76998463	0	0	0	1
XLOC_004428	RNU6-83	chr11:77726760-77850699	0	0	0	1
XLOC_004434	MIR708	chr11:78364327-79151695	0	0	0	1
XLOC_004435	MIR5579	chr11:78364327-79151695	0	0	0	1
XLOC_004436	MIR4300	chr11:81601782-81601878	0	0	0	1
XLOC_004437	FAM181B	chr11:82443045-82444906	0	0	0	1
XLOC_004440	SNORA70E	chr11:82692477-82782884	0	0	0	1
XLOC_004448	OR7E2P	chr11:86567972-86568996	0	0	0	1
XLOC_004452	GRM5	chr11:88237743-88796816	0	0	0	1
XLOC_004454	TRIM49	chr11:89530822-89541743	0	0	0	1
XLOC_004455	TRIM64B	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_004456	TRIM49D1P,TRIM	chr11:89570045-89673722	0	0	0	1
XLOC_004457	TRIM53AP	chr11:89726708-89735676	0	0	0	1
XLOC_004459	MIR4490	chr11:90288941-90289025	0	0	0	1
XLOC_004467	SNORD5	chr11:93466393-93466466	0	0	0	1
XLOC_004469	MIR1304	chr11:93466839-93466930	0	0	0	1
XLOC_004481	JRKL-AS1	chr11:96176445-96240041	0	0	0	1
XLOC_004482	PGR	chr11:100900354-101030001	0	0	0	1
XLOC_004484	MIR3920	chr11:101322294-101454659	0	0	0	1
XLOC_004485	ANGPTL5	chr11:101761404-101871793	0	0	0	1
XLOC_004488	MMP20	chr11:102447565-102496063	0	0	0	1
XLOC_004489	MMP27	chr11:102562414-102576468	0	0	0	1
XLOC_004490	MMP8	chr11:102582525-102595685	0	0	0	1
XLOC_004494	MMP12	chr11:102733463-102745764	0	0	0	1
XLOC_004495	MMP13	chr11:102813720-102826463	0	0	0	1
XLOC_004497	PDGFD	chr11:103777913-104035027	0	0	0	1
XLOC_004498	CASP12	chr11:104756444-104769397	0	0	0	1
XLOC_004504	CARD17	chr11:104963195-104972158	0	0	0	1
XLOC_004505	CARD18	chr11:105008447-105010461	0	0	0	1
XLOC_004518	ARHGAP20	chr11:110447758-110583912	0	0	0	1
XLOC_004521	LOC100132078	chr11:111284966-111288911	0	0	0	1
XLOC_004522	BTG4	chr11:111338255-111383079	0	0	0	1
XLOC_004529	IL18	chr11:112013973-112034840	0	0	0	1
XLOC_004531	LOC100288346	chr11:112831968-113149158	0	0	0	1
XLOC_004532	DRD2	chr11:113280316-113346001	0	0	0	1
XLOC_004533	MIR4301	chr11:113280316-113346001	0	0	0	1
XLOC_004538	NXPE1	chr11:114392436-114430580	0	0	0	1
XLOC_004539	NXPE4	chr11:114441312-114466484	0	0	0	1
XLOC_004541	LOC283143	chr11:115626050-115630918	0	0	0	1
XLOC_004544	APOA5	chr11:116660085-116663136	0	0	0	1
XLOC_004551	DSCAML1	chr11:117298488-117667976	0	0	0	1
XLOC_004554	TMPRSS4-AS1	chr11:117886486-117990556	0	0	0	1
XLOC_004556	SCN2B	chr11:118033518-118047337	0	0	0	1
XLOC_004557	AMICA1	chr11:118064441-118095809	0	0	0	1

XLOC_004563	TREH	chr11:118528941-118550381	0	0	0	1
XLOC_004574	MFRP	chr11:119209651-119217383	0	0	0	1
XLOC_004576	THY1	chr11:119252487-119369944	0	0	0	1
XLOC_004578	TRIM29	chr11:119981993-120008863	0	0	0	1
XLOC_004579	LOC649133	chr11:120107348-120190653	0	0	0	1
XLOC_004581	MIR125B1	chr11:121959810-122073770	0	0	0	1
XLOC_004582	BLID	chr11:121959810-122073770	0	0	0	1
XLOC_004583	MIRLET7A2	chr11:121959810-122073770	0	0	0	1
XLOC_004584	MIR100	chr11:121959810-122073770	0	0	0	1
XLOC_004585	BSX	chr11:122848356-122852379	0	0	0	1
XLOC_004588	MIR4493	chr11:123252147-123252220	0	0	0	1
XLOC_004591	OR6X1	chr11:123624287-123625226	0	0	0	1
XLOC_004592	OR6M1	chr11:123676115-123677057	0	0	0	1
XLOC_004593	TMEM225	chr11:123753632-123756340	0	0	0	1
XLOC_004594	OR6T1	chr11:123813573-123814545	0	0	0	1
XLOC_004595	OR10S1	chr11:123847402-123848398	0	0	0	1
XLOC_004596	OR10G7	chr11:123908772-123909708	0	0	0	1
XLOC_004597	OR8D1	chr11:124179735-124180662	0	0	0	1
XLOC_004598	OR8D2	chr11:124189157-124190093	0	0	0	1
XLOC_004599	OR8B2	chr11:124252297-124253239	0	0	0	1
XLOC_004600	OR8B3	chr11:124266305-124267247	0	0	0	1
XLOC_004601	OR8B4	chr11:124293837-124294767	0	0	0	1
XLOC_004602	OR8B8	chr11:124310045-124310981	0	0	0	1
XLOC_004603	OR8B12	chr11:124412617-124413550	0	0	0	1
XLOC_004609	HEPACAM	chr11:124789145-124806308	0	0	0	1
XLOC_004613	PATE2	chr11:125646027-125648714	0	0	0	1
XLOC_004620	MIR3167	chr11:126293395-126870766	0	0	0	1
XLOC_004622	FLI1-AS1	chr11:128556429-128683162	0	0	0	1
XLOC_004633	SPATA19	chr11:133710516-133715392	0	0	0	1
XLOC_004649	CACNA1C	chr12:2162415-2807115	0	0	0	1
XLOC_004650	CACNA1C-IT3	chr12:2162415-2807115	0	0	0	1
XLOC_004666	KCNA1	chr12:5019072-5027422	0	0	0	1
XLOC_004667	KCNA5	chr12:5153084-5155954	0	0	0	1
XLOC_004668	NTF3	chr12:5541279-5604465	0	0	0	1
XLOC_004693	MIR200C	chr12:7072861-7072929	0	0	0	1
XLOC_004694	MIR141	chr12:7073259-7073354	0	0	0	1
XLOC_004700	ACSM4	chr12:7456927-7480969	0	0	0	1
XLOC_004701	DPPA3	chr12:7864088-7870152	0	0	0	1
XLOC_004702	NANOGNB	chr12:7917811-7926717	0	0	0	1
XLOC_004709	CLEC6A	chr12:8608590-8630926	0	0	0	1
XLOC_004710	CLEC4D	chr12:8666135-8674960	0	0	0	1
XLOC_004720	KLRF1	chr12:9980076-9997603	0	0	0	1
XLOC_004721	KLRF2	chr12:10034087-10048432	0	0	0	1
XLOC_004722	CLEC12A	chr12:10103914-10138194	0	0	0	1
XLOC_004723	CLEC12B	chr12:10163230-10171399	0	0	0	1
XLOC_004724	CLEC9A	chr12:10183275-10218565	0	0	0	1
XLOC_004725	TMEM52B	chr12:10331556-10344403	0	0	0	1
XLOC_004733	MIR1244-2	chr12:12264885-12264967	0	0	0	1
XLOC_004738	MIR613	chr12:12878850-12944399	0	0	0	1

XLOC_004742	MIR614	chr12:13068762-13068852	0	0	0	1
XLOC_004750	PDE6H	chr12:15125955-15134799	0	0	0	1
XLOC_004751	PTPRO	chr12:15475190-15751265	0	0	0	1
XLOC_004755	SKP1P2	chr12:17141680-17143562	0	0	0	1
XLOC_004756	MIR3974	chr12:17826232-17826328	0	0	0	1
XLOC_004757	PIK3C2G	chr12:18414473-18801352	0	0	0	1
XLOC_004758	CAPZA3	chr12:18891044-18892122	0	0	0	1
XLOC_004761	LOC100506393	chr12:20167618-20251802	0	0	0	1
XLOC_004762	PDE3A	chr12:20522178-20837041	0	0	0	1
XLOC_004773	MIR920	chr12:23685230-24715383	0	0	0	1
XLOC_004774	LRMP	chr12:25205180-25348094	0	0	0	1
XLOC_004789	LOC101055625	chr12:29542226-29650619	0	0	0	1
XLOC_004802	C12orf40	chr12:40019971-40115720	0	0	0	1
XLOC_004803	LRRK2	chr12:40618812-40763086	0	0	0	1
XLOC_004804	CNTN1	chr12:41086243-41466213	0	0	0	1
XLOC_004811	MIR4698	chr12:47581594-47581674	0	0	0	1
XLOC_004812	PCED1B	chr12:47602202-47630443	0	0	0	1
XLOC_004816	C12orf68	chr12:48577365-48579709	0	0	0	1
XLOC_004818	ANP32D	chr12:48866447-48866843	0	0	0	1
XLOC_004820	OR8S1	chr12:48919414-48921886	0	0	0	1
XLOC_004821	LOC255411	chr12:49121217-49159569	0	0	0	1
XLOC_004824	WNT1	chr12:49372235-49376396	0	0	0	1
XLOC_004835	AQP2	chr12:50344523-50352664	0	0	0	1
XLOC_004836	AQP5	chr12:50355278-50359465	0	0	0	1
XLOC_004845	TMPRSS12	chr12:51236700-51281663	0	0	0	1
XLOC_004847	HIGD1C	chr12:51347781-51364289	0	0	0	1
XLOC_004852	ANKRD33	chr12:52281792-52285505	0	0	0	1
XLOC_004878	HOXC12	chr12:54348713-54350350	0	0	0	1
XLOC_004881	MIR196A2	chr12:54385521-54385631	0	0	0	1
XLOC_004885	MIR615	chr12:54410641-54449814	0	0	0	1
XLOC_004887	LOC100240734	chr12:54452037-54516018	0	0	0	1
XLOC_004891	MIR148B	chr12:54718873-54745635	0	0	0	1
XLOC_004894	MUCL1	chr12:55248298-55252174	0	0	0	1
XLOC_004895	NEUROD4	chr12:55413728-55423801	0	0	0	1
XLOC_004896	OR9K2	chr12:55523552-55524560	0	0	0	1
XLOC_004897	OR10A7	chr12:55614808-55615759	0	0	0	1
XLOC_004898	OR6C74	chr12:55641071-55642010	0	0	0	1
XLOC_004899	OR6C1	chr12:55714383-55715322	0	0	0	1
XLOC_004900	OR6C3	chr12:55725484-55726420	0	0	0	1
XLOC_004901	OR6C75	chr12:55758894-55759833	0	0	0	1
XLOC_004902	OR6C65	chr12:55794312-55795251	0	0	0	1
XLOC_004903	OR6C76	chr12:55820037-55820976	0	0	0	1
XLOC_004904	OR6C2	chr12:55845997-55846936	0	0	0	1
XLOC_004905	OR6C68	chr12:55886161-55887100	0	0	0	1
XLOC_004906	OR6C4	chr12:55945010-55945940	0	0	0	1
XLOC_004907	OR2AP1	chr12:55968198-55969128	0	0	0	1
XLOC_004908	OR10P1	chr12:56030675-56031617	0	0	0	1
XLOC_004937	MIR1228	chr12:57522281-57607125	0	0	0	1
XLOC_004947	DTX3	chr12:57998603-58003583	0	0	0	1

XLOC_004948	ARHGEF25	chr12:58003962-58011028	0	0	0	1
XLOC_004949	SLC26A10	chr12:58013692-58027022	0	0	0	1
XLOC_004960	MIRLET71	chr12:62997465-62997549	0	0	0	1
XLOC_004966	MIR548C	chr12:65004292-65091347	0	0	0	1
XLOC_004968	FLJ41278	chr12:65277553-65371302	0	0	0	1
XLOC_004972	IRAK3	chr12:66582977-66648394	0	0	0	1
XLOC_004984	MIR3913-2	chr12:69978501-69978603	0	0	0	1
XLOC_004994	TPH2	chr12:72332625-72426221	0	0	0	1
XLOC_004995	TRHDE	chr12:72647286-73059422	0	0	0	1
XLOC_005003	MIR1252	chr12:79257772-79845788	0	0	0	1
XLOC_005004	MIR5692B	chr12:79850650-79852440	0	0	0	1
XLOC_005006	PTPRQ	chr12:80838125-81073968	0	0	0	1
XLOC_005007	MYF6	chr12:81101407-81103256	0	0	0	1
XLOC_005008	MYF5	chr12:81110707-81113447	0	0	0	1
XLOC_005009	ACSS3	chr12:81471808-81649582	0	0	0	1
XLOC_005010	MIR4699	chr12:81471808-81649582	0	0	0	1
XLOC_005013	LRRIQ1	chr12:85430098-85638883	0	0	0	1
XLOC_005014	ALX1	chr12:85674035-85695561	0	0	0	1
XLOC_005015	NTS	chr12:86268072-86276770	0	0	0	1
XLOC_005019	LINC00615	chr12:91311799-91342446	0	0	0	1
XLOC_005020	CLLU1	chr12:92813869-92824778	0	0	0	1
XLOC_005021	C12orf74	chr12:93096618-93102325	0	0	0	1
XLOC_005029	MIR5700	chr12:94955564-94955635	0	0	0	1
XLOC_005030	KRT19P2,MIR492	chr12:95228173-95228804	0	0	0	1
XLOC_005032	MIR331	chr12:95702195-95702289	0	0	0	1
XLOC_005033	MIR3685	chr12:95703698-95703760	0	0	0	1
XLOC_005035	PGAM1P5	chr12:96043030-96184536	0	0	0	1
XLOC_005040	RMST	chr12:97858798-97927544	0	0	0	1
XLOC_005041	MIR1251	chr12:97858798-97927544	0	0	0	1
XLOC_005042	MIR135A2	chr12:97957589-97957689	0	0	0	1
XLOC_005048	MIR1827	chr12:100583661-100583727	0	0	0	1
XLOC_005051	SLC17A8	chr12:100750856-100815837	0	0	0	1
XLOC_005052	NR1H4	chr12:100867550-100957645	0	0	0	1
XLOC_005056	SPIC	chr12:101871334-101880775	0	0	0	1
XLOC_005057	MYBPC1	chr12:101988708-102079658	0	0	0	1
XLOC_005062	STAB2	chr12:103981068-104160502	0	0	0	1
XLOC_005069	MIR3922	chr12:104850691-105155792	0	0	0	1
XLOC_005075	RFX4	chr12:106751435-107283094	0	0	0	1
XLOC_005080	ASCL4	chr12:108168161-108170421	0	0	0	1
XLOC_005081	WSCD2	chr12:108523510-108644313	0	0	0	1
XLOC_005084	DAO	chr12:109273856-109294710	0	0	0	1
XLOC_005092	MIR4497	chr12:110220891-110271241	0	0	0	1
XLOC_005100	CCDC63	chr12:111284810-111345338	0	0	0	1
XLOC_005101	LOC100131138	chr12:111374405-111375250	0	0	0	1
XLOC_005121	TBX5-AS1	chr12:114791734-114850637	0	0	0	1
XLOC_005131	CCDC60	chr12:119772516-119978852	0	0	0	1
XLOC_005132	TMEM233	chr12:120031263-120079363	0	0	0	1
XLOC_005177	MIR5188	chr12:125400092-125400205	0	0	0	1
XLOC_005181	LOC100128554	chr12:126927026-126957331	0	0	0	1

XLOC_005185	TMEM132C	chr12:128751947-129192460	0	0	0	1
XLOC_005186	MIR3612	chr12:128751947-129192460	0	0	0	1
XLOC_005188	FZD10	chr12:130647003-130650285	0	0	0	1
XLOC_005189	PIWIL1	chr12:130822432-130856877	0	0	0	1
XLOC_005211	FAM138D	chr12:147945-149412	0	0	0	1
XLOC_005212	LOC574538	chr12:176048-287625	0	0	0	1
XLOC_005219	MIR3649	chr12:1769480-1769546	0	0	0	1
XLOC_005220	CACNA2D4	chr12:1901122-2027870	0	0	0	1
XLOC_005223	CACNA1C-AS4	chr12:2162415-2807115	0	0	0	1
XLOC_005224	CACNA1C-AS1	chr12:2162415-2807115	0	0	0	1
XLOC_005225	LOC283440	chr12:2870365-2880835	0	0	0	1
XLOC_005230	FGF23	chr12:4477392-4488894	0	0	0	1
XLOC_005231	FGF6	chr12:4543307-4554780	0	0	0	1
XLOC_005244	SCARNA11	chr12:6679247-6716551	0	0	0	1
XLOC_005260	CD163	chr12:7623411-7656414	0	0	0	1
XLOC_005261	APOBEC1	chr12:7801995-7818502	0	0	0	1
XLOC_005262	GDF3	chr12:7842380-7848360	0	0	0	1
XLOC_005263	CLEC4C	chr12:7882010-7902069	0	0	0	1
XLOC_005271	CLEC4E	chr12:8685900-8693558	0	0	0	1
XLOC_005272	AICDA	chr12:8754761-8765442	0	0	0	1
XLOC_005277	PZP	chr12:9301435-9360966	0	0	0	1
XLOC_005278	A2MP1	chr12:9381128-9386803	0	0	0	1
XLOC_005279	MIR1244-1	chr12:9392065-9392147	0	0	0	1
XLOC_005281	KLRB1	chr12:9747869-9760497	0	0	0	1
XLOC_005283	CD69	chr12:9905081-9913497	0	0	0	1
XLOC_005285	CLEC2A	chr12:10065825-10084980	0	0	0	1
XLOC_005286	CLEC1B	chr12:10145661-10151899	0	0	0	1
XLOC_005287	CLEC1A	chr12:10223079-10251605	0	0	0	1
XLOC_005289	OLR1	chr12:10310898-10324790	0	0	0	1
XLOC_005290	KLRC4,KLRC4-KL	chr12:10524951-10562745	0	0	0	1
XLOC_005291	KLRC3	chr12:10564913-10573194	0	0	0	1
XLOC_005292	KLRC2	chr12:10583205-10588592	0	0	0	1
XLOC_005293	KLRC1	chr12:10598637-10607215	0	0	0	1
XLOC_005298	TAS2R7	chr12:10954130-10955226	0	0	0	1
XLOC_005299	TAS2R8	chr12:10958649-10959579	0	0	0	1
XLOC_005300	TAS2R9	chr12:10961692-10962767	0	0	0	1
XLOC_005303	TAS2R13	chr12:10998447-11328619	0	0	0	1
XLOC_005309	TAS2R46	chr12:10998447-11328619	0	0	0	1
XLOC_005312	TAS2R42	chr12:11338598-11339543	0	0	0	1
XLOC_005314	PRB4	chr12:11460014-11463369	0	0	0	1
XLOC_005315	PRB1	chr12:11504756-11508524	0	0	0	1
XLOC_005316	PRB2	chr12:11544473-11548498	0	0	0	1
XLOC_005317	RNU6-19	chr12:11802787-12079107	0	0	0	1
XLOC_005326	C12orf36	chr12:13523604-13529679	0	0	0	1
XLOC_005327	GRIN2B	chr12:13714409-14133022	0	0	0	1
XLOC_005333	ART4	chr12:14982244-14996413	0	0	0	1
XLOC_005334	MGP	chr12:15034114-15038853	0	0	0	1
XLOC_005335	ERP27	chr12:15066975-15091463	0	0	0	1
XLOC_005337	RERG	chr12:15260715-15374411	0	0	0	1

XLOC_005339	SLC15A5	chr12:16341418-16430619	0	0	0	1
XLOC_005340	LMO3	chr12:16701305-16761148	0	0	0	1
XLOC_005341	RERGL	chr12:18233802-18243114	0	0	0	1
XLOC_005342	PLCZ1	chr12:18836109-18890993	0	0	0	1
XLOC_005347	KCNJ8	chr12:21917888-21927755	0	0	0	1
XLOC_005351	SOX5	chr12:23685230-24715383	0	0	0	1
XLOC_005352	LINC00477	chr12:24719897-24737102	0	0	0	1
XLOC_005354	C12orf77	chr12:25146364-25150373	0	0	0	1
XLOC_005358	MIR4302	chr12:26026952-26027012	0	0	0	1
XLOC_005359	LOC100506451	chr12:26107587-26232825	0	0	0	1
XLOC_005365	MANSC4	chr12:27915598-27924209	0	0	0	1
XLOC_005368	OVCH1	chr12:29542226-29650619	0	0	0	1
XLOC_005369	TMTC1	chr12:29653745-29937692	0	0	0	1
XLOC_005377	RNU6-78	chr12:32146772-32146802	0	0	0	1
XLOC_005380	SYT10	chr12:33528347-33592754	0	0	0	1
XLOC_005381	CPNE8	chr12:39046001-39299420	0	0	0	1
XLOC_005383	ABCD2	chr12:39945021-40013843	0	0	0	1
XLOC_005389	ADAMTS20	chr12:43748011-43945724	0	0	0	1
XLOC_005393	DBX2	chr12:45408538-45444882	0	0	0	1
XLOC_005396	RNY5	chr12:45566816-45834187	0	0	0	1
XLOC_005402	AMIGO2	chr12:47469489-47473734	0	0	0	1
XLOC_005403	PCED1B-AS1	chr12:47602202-47630443	0	0	0	1
XLOC_005412	OR10AD1	chr12:48596121-48597075	0	0	0	1
XLOC_005414	LALBA	chr12:48961466-48963829	0	0	0	1
XLOC_005418	SNORA2B	chr12:49046994-49076035	0	0	0	1
XLOC_005421	MIR4701	chr12:49159974-49182820	0	0	0	1
XLOC_005442	LOC283332	chr12:50302665-50305646	0	0	0	1
XLOC_005446	MIR1293	chr12:50569562-50677353	0	0	0	1
XLOC_005456	FIGNL2	chr12:52211675-52225701	0	0	0	1
XLOC_005458	LOC283403	chr12:52599364-52604639	0	0	0	1
XLOC_005461	KRT85	chr12:52753789-52761309	0	0	0	1
XLOC_005462	KRT84	chr12:52771595-52779417	0	0	0	1
XLOC_005463	KRT82	chr12:52787734-52800176	0	0	0	1
XLOC_005465	KRT6B	chr12:52840434-52845910	0	0	0	1
XLOC_005466	KRT6C	chr12:52862299-52867569	0	0	0	1
XLOC_005467	KRT6A	chr12:52880957-52887181	0	0	0	1
XLOC_005469	KRT71	chr12:52937692-52946931	0	0	0	1
XLOC_005470	KRT74	chr12:52959602-52967609	0	0	0	1
XLOC_005471	KRT72	chr12:52979372-52995322	0	0	0	1
XLOC_005472	KRT73	chr12:53001353-53012343	0	0	0	1
XLOC_005473	KRT2	chr12:53038341-53045959	0	0	0	1
XLOC_005475	KRT77	chr12:53083410-53097247	0	0	0	1
XLOC_005476	KRT76	chr12:53161938-53171129	0	0	0	1
XLOC_005477	KRT3	chr12:53183468-53189892	0	0	0	1
XLOC_005478	KRT4	chr12:53200326-53207900	0	0	0	1
XLOC_005494	HOXC-AS5	chr12:54329111-54340328	0	0	0	1
XLOC_005503	GTSF1	chr12:54849735-54867386	0	0	0	1
XLOC_005504	PPP1R1A	chr12:54973023-54982443	0	0	0	1
XLOC_005505	GLYCAM1	chr12:55001970-55004246	0	0	0	1

XLOC_005506	LACRT	chr12:55024622-55028663	0	0	0	1
XLOC_005508	TESPA1	chr12:55342086-55378530	0	0	0	1
XLOC_005509	OR6C6	chr12:55688071-55689016	0	0	0	1
XLOC_005510	OR6C70	chr12:55862983-55863922	0	0	0	1
XLOC_005524	APOF	chr12:56754354-56756583	0	0	0	1
XLOC_005530	SNORD59B	chr12:57031958-57039852	0	0	0	1
XLOC_005531	SNORD59A	chr12:57031958-57039852	0	0	0	1
XLOC_005538	TAC3	chr12:57403780-57410344	0	0	0	1
XLOC_005548	B4GALNT1	chr12:58013692-58027022	0	0	0	1
XLOC_005555	MIR26A2	chr12:58213709-58240747	0	0	0	1
XLOC_005561	AVPR1A	chr12:63536538-63546590	0	0	0	1
XLOC_005564	C12orf56	chr12:64660762-64784345	0	0	0	1
XLOC_005571	IFNG	chr12:68548549-68553521	0	0	0	1
XLOC_005572	IL26	chr12:68595128-68619571	0	0	0	1
XLOC_005573	IL22	chr12:68642024-68647281	0	0	0	1
XLOC_005575	SNORA70G	chr12:69004618-69054385	0	0	0	1
XLOC_005579	MIR1279	chr12:69633316-69668138	0	0	0	1
XLOC_005580	MIR3913-1	chr12:69978501-69978603	0	0	0	1
XLOC_005588	TRHDE-AS1	chr12:72647286-73059422	0	0	0	1
XLOC_005589	LOC100507377	chr12:74526955-74686411	0	0	0	1
XLOC_005590	KCNC2	chr12:75433857-75603528	0	0	0	1
XLOC_005601	LIN7A	chr12:81191170-81331694	0	0	0	1
XLOC_005602	MIR617	chr12:81191170-81331694	0	0	0	1
XLOC_005603	MIR618	chr12:81191170-81331694	0	0	0	1
XLOC_005604	PPFIA2	chr12:81652044-82153109	0	0	0	1
XLOC_005606	SLC6A15	chr12:85253266-85306608	0	0	0	1
XLOC_005608	RASSF9	chr12:86198330-86230318	0	0	0	1
XLOC_005609	MGAT4C	chr12:86373036-87232681	0	0	0	1
XLOC_005610	MIR548AL	chr12:86373036-87232681	0	0	0	1
XLOC_005611	MKRN9P	chr12:88176662-88178488	0	0	0	1
XLOC_005619	CCER1	chr12:91345991-91348953	0	0	0	1
XLOC_005620	EPYC	chr12:91357455-91398803	0	0	0	1
XLOC_005621	KERA	chr12:91444270-91452131	0	0	0	1
XLOC_005623	DCN	chr12:91539034-91576806	0	0	0	1
XLOC_005625	CLLU1OS	chr12:92813869-92824778	0	0	0	1
XLOC_005627	LOC643339	chr12:93397533-93771512	0	0	0	1
XLOC_005641	MIR4303	chr12:98389160-98389226	0	0	0	1
XLOC_005642	SLC9A7P1	chr12:98847618-98850923	0	0	0	1
XLOC_005650	SLC5A8	chr12:101549993-101604016	0	0	0	1
XLOC_005659	PAH	chr12:103232103-103311381	0	0	0	1
XLOC_005660	C12orf42	chr12:103695732-103889749	0	0	0	1
XLOC_005671	LOC100287944	chr12:106751435-107283094	0	0	0	1
XLOC_005676	LOC728739	chr12:108296926-108297548	0	0	0	1
XLOC_005677	CMKLR1	chr12:108681820-108733094	0	0	0	1
XLOC_005683	SVOP	chr12:109304657-109458845	0	0	0	1
XLOC_005710	RASAL1	chr12:113536623-113574044	0	0	0	1
XLOC_005715	LHX5	chr12:113900693-113909877	0	0	0	1
XLOC_005717	TBX5	chr12:114791734-114850637	0	0	0	1
XLOC_005720	MIR620	chr12:116396380-116714991	0	0	0	1

XLOC_005721	MIR4472-2	chr12:116866056-116866123	0	0	0	1
XLOC_005727	KSR2	chr12:117890816-118406028	0	0	0	1
XLOC_005731	LOC144742	chr12:119721629-119741185	0	0	0	1
XLOC_005735	MIR4498	chr12:120565013-120632513	0	0	0	1
XLOC_005752	MORN3	chr12:122089292-122107560	0	0	0	1
XLOC_005756	IL31	chr12:122652265-122688018	0	0	0	1
XLOC_005768	MIR4304	chr12:123468026-123594975	0	0	0	1
XLOC_005780	LOC400084	chr12:126443233-126467920	0	0	0	1
XLOC_005782	LOC440117	chr12:127354039-127359236	0	0	0	1
XLOC_005784	TMEM132D	chr12:129556270-130388212	0	0	0	1
XLOC_005785	LOC100190940	chr12:130518356-130526887	0	0	0	1
XLOC_005791	LRCOL1	chr12:133179735-133187037	0	0	0	1
XLOC_005797	ANHX	chr12:133794897-133812422	0	0	0	1
XLOC_005798	LINC00442	chr13:19582398-19586774	0	0	0	1
XLOC_005799	RNU6-52	chr13:19717121-19717217	0	0	0	1
XLOC_005800	LINC00421	chr13:19919188-19920889	0	0	0	1
XLOC_005809	SGCG	chr13:23755059-23899304	0	0	0	1
XLOC_005810	LINC00327	chr13:24043650-24061603	0	0	0	1
XLOC_005811	TNFRSF19	chr13:24144508-24250244	0	0	0	1
XLOC_005814	MIR2276	chr13:24734860-24881212	0	0	0	1
XLOC_005818	RNF17	chr13:25338300-25454058	0	0	0	1
XLOC_005821	ATP8A2	chr13:25946208-26595420	0	0	0	1
XLOC_005825	SNORD102	chr13:27825691-27830702	0	0	0	1
XLOC_005830	GSX1	chr13:28366779-28368089	0	0	0	1
XLOC_005836	LINC00544	chr13:30510667-30524625	0	0	0	1
XLOC_005839	LINC00398	chr13:31377342-31384782	0	0	0	1
XLOC_005840	MEDAG	chr13:31456971-31506745	0	0	0	1
XLOC_005841	TEX26	chr13:31506833-31549153	0	0	0	1
XLOC_005843	RXFP2	chr13:32313678-32377009	0	0	0	1
XLOC_005844	EEF1DP3	chr13:32420919-32533721	0	0	0	1
XLOC_005848	KL	chr13:33590570-33640282	0	0	0	1
XLOC_005852	SPG20OS	chr13:36875774-36944317	0	0	0	1
XLOC_005853	CCNA1	chr13:37005966-37017019	0	0	0	1
XLOC_005854	SERTM1	chr13:37248048-37271975	0	0	0	1
XLOC_005857	LINC00547	chr13:38109076-38125673	0	0	0	1
XLOC_005859	LINC00366	chr13:39141860-39153653	0	0	0	1
XLOC_005860	FREM2	chr13:39261172-39461267	0	0	0	1
XLOC_005863	LINC00332	chr13:40755945-40763167	0	0	0	1
XLOC_005868	RGCC	chr13:42031541-42045013	0	0	0	1
XLOC_005872	TNFSF11	chr13:43136871-43182149	0	0	0	1
XLOC_005873	FAM216B	chr13:43355685-43365685	0	0	0	1
XLOC_005876	LINC00284	chr13:44596470-44604599	0	0	0	1
XLOC_005877	SERP2	chr13:44947977-44971850	0	0	0	1
XLOC_005890	CYSLTR2	chr13:49280950-49283498	0	0	0	1
XLOC_005896	ARL11	chr13:50202434-50208008	0	0	0	1
XLOC_005905	MIR4703	chr13:52126724-52126803	0	0	0	1
XLOC_005913	MIR759	chr13:53384184-53384275	0	0	0	1
XLOC_005914	OLFM4	chr13:53602875-53626196	0	0	0	1
XLOC_005915	LINC00558	chr13:54389553-54450254	0	0	0	1

XLOC_005916	MIR5007	chr13:55748588-55748683	0	0	0	1
XLOC_005917	PRR20B	chr13:57715051-57718073	0	0	0	1
XLOC_005918	PRR20D	chr13:57721621-57724643	0	0	0	1
XLOC_005919	PRR20E	chr13:57728194-57731216	0	0	0	1
XLOC_005920	PRR20A	chr13:57734765-57737787	0	0	0	1
XLOC_005921	PRR20A	chr13:57741330-57744352	0	0	0	1
XLOC_005922	PCDH17	chr13:58205788-58303065	0	0	0	1
XLOC_005923	DIAPH3-AS1	chr13:60239720-60738119	0	0	0	1
XLOC_005924	DIAPH3-AS2	chr13:60239720-60738119	0	0	0	1
XLOC_005926	OR7E156P	chr13:64311567-64316701	0	0	0	1
XLOC_005927	PCDH9-AS2	chr13:66876965-67804468	0	0	0	1
XLOC_005928	PCDH9-AS3	chr13:66876965-67804468	0	0	0	1
XLOC_005929	ATXN8OS	chr13:70274724-70713885	0	0	0	1
XLOC_005930	LINC00348	chr13:71589272-71742549	0	0	0	1
XLOC_005934	LINC00381	chr13:74993309-75009296	0	0	0	1
XLOC_005935	LINC00347	chr13:75126979-75131257	0	0	0	1
XLOC_005939	BTF3P11	chr13:77502584-77503224	0	0	0	1
XLOC_005940	IRG1	chr13:77526623-77532776	0	0	0	1
XLOC_005942	MYCBP2-AS1	chr13:77618791-77901177	0	0	0	1
XLOC_005943	SCEL	chr13:78109808-78219398	0	0	0	1
XLOC_005944	SLAIN1	chr13:78271988-78338377	0	0	0	1
XLOC_005945	LINC00446	chr13:78587017-78627730	0	0	0	1
XLOC_005946	POU4F1-AS1	chr13:78628989-79233314	0	0	0	1
XLOC_005949	LINC00333	chr13:84714736-85180903	0	0	0	1
XLOC_005950	LINC00351	chr13:85937737-86118797	0	0	0	1
XLOC_005951	SLITRK5	chr13:88324869-88331870	0	0	0	1
XLOC_005952	LINC00433	chr13:89193083-89197764	0	0	0	1
XLOC_005953	MIR622	chr13:90883435-90883531	0	0	0	1
XLOC_005955	GPC5	chr13:92050934-93519487	0	0	0	1
XLOC_005956	GPC6	chr13:93879077-95060273	0	0	0	1
XLOC_005958	CLDN10	chr13:96085852-96296960	0	0	0	1
XLOC_005960	HS6ST3	chr13:96743092-97491816	0	0	0	1
XLOC_005965	MIR3170	chr13:98795433-99102023	0	0	0	1
XLOC_005967	FKSG29	chr13:99848627-100058554	0	0	0	1
XLOC_005968	MIR623	chr13:99848627-100058554	0	0	0	1
XLOC_005971	MIR4306	chr13:100258918-100549388	0	0	0	1
XLOC_005975	ITGBL1	chr13:102104943-103054124	0	0	0	1
XLOC_005976	FGF14-AS2	chr13:102104943-103054124	0	0	0	1
XLOC_005980	DAOA	chr13:106111405-106158030	0	0	0	1
XLOC_005981	LINC00343	chr13:106359217-106414143	0	0	0	1
XLOC_005983	LINC00551	chr13:107270157-107284006	0	0	0	1
XLOC_005984	LINC00443	chr13:107306227-107324528	0	0	0	1
XLOC_005987	MYO16	chr13:109248499-109860355	0	0	0	1
XLOC_005988	COL4A2	chr13:110959630-111165373	0	0	0	1
XLOC_005993	SOX1	chr13:112721912-112726020	0	0	0	1
XLOC_005994	SPACA7	chr13:113030650-113089009	0	0	0	1
XLOC_005995	C13orf35	chr13:113301357-113338811	0	0	0	1
XLOC_006006	TMEM255B	chr13:114462215-114514899	0	0	0	1
XLOC_006013	TUBA3C	chr13:19747909-19755992	0	0	0	1

XLOC_006014	ANKRD26P3	chr13:19836939-19919113	0	0	0	1
XLOC_006019	GJB2	chr13:20761603-20767114	0	0	0	1
XLOC_006020	GJB6	chr13:20796100-20806534	0	0	0	1
XLOC_006022	MIR4499	chr13:20977805-21100012	0	0	0	1
XLOC_006029	LINC00424	chr13:22446934-22452299	0	0	0	1
XLOC_006030	BASP1P1	chr13:23471168-23472320	0	0	0	1
XLOC_006035	SPATA13-AS1	chr13:24734860-24881212	0	0	0	1
XLOC_006039	AMER2	chr13:25742671-25745857	0	0	0	1
XLOC_006041	SHISA2	chr13:26618734-26625198	0	0	0	1
XLOC_006048	PRHOXNB	chr13:28552242-28562774	0	0	0	1
XLOC_006049	FLT3	chr13:28577410-28674729	0	0	0	1
XLOC_006051	FLT1	chr13:28874482-29069265	0	0	0	1
XLOC_006056	LINC00297	chr13:30446749-30462542	0	0	0	1
XLOC_006058	LINC00426	chr13:30914406-30948036	0	0	0	1
XLOC_006060	TEX26-AS1	chr13:31456971-31506745	0	0	0	1
XLOC_006067	LINC00423	chr13:33383327-33485790	0	0	0	1
XLOC_006069	LINC00457	chr13:35009590-35214822	0	0	0	1
XLOC_006070	MAB21L1	chr13:35516423-36705514	0	0	0	1
XLOC_006071	DCLK1	chr13:35516423-36705514	0	0	0	1
XLOC_006072	CCDC169,CCDC1	chr13:36742344-36871992	0	0	0	1
XLOC_006073	SPG20	chr13:36875774-36944317	0	0	0	1
XLOC_006077	CSNK1A1L	chr13:37677396-37679801	0	0	0	1
XLOC_006078	POSTN	chr13:38136718-38172981	0	0	0	1
XLOC_006079	TRPC4	chr13:38210772-38443939	0	0	0	1
XLOC_006080	LINC00571	chr13:38624953-38717369	0	0	0	1
XLOC_006083	LHFP	chr13:39917028-40177356	0	0	0	1
XLOC_006084	MIR4305	chr13:40229763-40365802	0	0	0	1
XLOC_006085	LINC00548	chr13:40768645-40794639	0	0	0	1
XLOC_006088	MIR320D1	chr13:41301963-41302011	0	0	0	1
XLOC_006099	SMIM2-IT1	chr13:44720605-44732358	0	0	0	1
XLOC_006101	LINC00330	chr13:45373639-45383766	0	0	0	1
XLOC_006107	FAM194B	chr13:46115431-46189874	0	0	0	1
XLOC_006108	SIAH3	chr13:46354415-46425846	0	0	0	1
XLOC_006113	KIAA0226L	chr13:46916136-46961635	0	0	0	1
XLOC_006115	HTR2A	chr13:47405676-47471211	0	0	0	1
XLOC_006128	MIR3613	chr13:50556687-50699677	0	0	0	1
XLOC_006129	MIR16-1	chr13:50556687-50699677	0	0	0	1
XLOC_006130	MIR15A	chr13:50556687-50699677	0	0	0	1
XLOC_006133	GUCY1B2	chr13:51568646-51640293	0	0	0	1
XLOC_006134	MIR5693	chr13:51915167-52027275	0	0	0	1
XLOC_006144	LECT1	chr13:53277399-53313947	0	0	0	1
XLOC_006145	PCDH8	chr13:53418108-53422775	0	0	0	1
XLOC_006146	MIR1297	chr13:54886106-54886183	0	0	0	1
XLOC_006148	MIR3169	chr13:61773931-61774014	0	0	0	1
XLOC_006149	PCDH20	chr13:61983818-61989655	0	0	0	1
XLOC_006150	PCDH9	chr13:66876965-67804468	0	0	0	1
XLOC_006151	LINC00550	chr13:69435416-69459457	0	0	0	1
XLOC_006152	KLHL1	chr13:70274724-70713885	0	0	0	1
XLOC_006163	MIR3665	chr13:78271988-78338377	0	0	0	1

XLOC_006164	EDNRB	chr13:78469615-78549674	0	0	0	1
XLOC_006167	LINC00331	chr13:79361453-79414160	0	0	0	1
XLOC_006169	NDFIP2-AS1	chr13:80051498-80130212	0	0	0	1
XLOC_006171	SLITRK1	chr13:84451342-84456528	0	0	0	1
XLOC_006172	SLITRK6	chr13:86366921-86373483	0	0	0	1
XLOC_006174	MIR4500	chr13:88096241-88323218	0	0	0	1
XLOC_006175	LINC00353	chr13:90201047-90216667	0	0	0	1
XLOC_006176	LINC00559	chr13:90712500-90771971	0	0	0	1
XLOC_006177	LINC00410	chr13:91543207-91578851	0	0	0	1
XLOC_006178	LINC00379	chr13:91779866-91863952	0	0	0	1
XLOC_006179	GPC5-AS1	chr13:92050934-93519487	0	0	0	1
XLOC_006180	GPC6-AS2	chr13:93879077-95060273	0	0	0	1
XLOC_006183	SOX21	chr13:95361878-95364389	0	0	0	1
XLOC_006185	CLDN10-AS1	chr13:96085852-96296960	0	0	0	1
XLOC_006188	LINC00359	chr13:97593534-97636426	0	0	0	1
XLOC_006189	OXGR1	chr13:97637972-97646604	0	0	0	1
XLOC_006195	MIR548AN	chr13:99848627-100058554	0	0	0	1
XLOC_006199	PCCA-AS1	chr13:100741268-101241046	0	0	0	1
XLOC_006202	NALCN	chr13:101360578-102068813	0	0	0	1
XLOC_006203	FGF14	chr13:102104943-103054124	0	0	0	1
XLOC_006204	MIR2681	chr13:102104943-103054124	0	0	0	1
XLOC_006205	MIR4705	chr13:102104943-103054124	0	0	0	1
XLOC_006206	FGF14-IT1	chr13:102104943-103054124	0	0	0	1
XLOC_006207	METTL21C	chr13:103338096-103346871	0	0	0	1
XLOC_006211	SLC10A2	chr13:103696347-103719196	0	0	0	1
XLOC_006212	MIR548AS	chr13:103934828-103934848	0	0	0	1
XLOC_006213	DAOA-AS1	chr13:106111405-106158030	0	0	0	1
XLOC_006216	FAM155A	chr13:107820878-108519460	0	0	0	1
XLOC_006218	MYO16-AS1	chr13:109248499-109860355	0	0	0	1
XLOC_006220	COL4A1	chr13:110801309-110959496	0	0	0	1
XLOC_006221	COL4A2-AS1	chr13:110959630-111165373	0	0	0	1
XLOC_006232	ATP4B	chr13:114303121-114312513	0	0	0	1
XLOC_006233	LINC00552	chr13:114451483-114454062	0	0	0	1
XLOC_006237	OR11H12	chr14:19377593-19378574	0	0	0	1
XLOC_006238	POTEG	chr14:19553364-19584942	0	0	0	1
XLOC_006239	LOC101101776	chr14:19894368-19904572	0	0	0	1
XLOC_006240	OR4Q3	chr14:20215586-20216528	0	0	0	1
XLOC_006241	OR4M1	chr14:20248481-20249423	0	0	0	1
XLOC_006242	OR4N2	chr14:20295607-20296531	0	0	0	1
XLOC_006243	OR4K2	chr14:20344426-20345371	0	0	0	1
XLOC_006244	OR4K5	chr14:20388765-20389737	0	0	0	1
XLOC_006245	OR4K1	chr14:20403766-20404842	0	0	0	1
XLOC_006246	OR4K15	chr14:20443677-20444724	0	0	0	1
XLOC_006247	OR4L1	chr14:20528203-20529142	0	0	0	1
XLOC_006248	OR4K17	chr14:20585565-20586597	0	0	0	1
XLOC_006249	OR4N5	chr14:20611894-20612821	0	0	0	1
XLOC_006250	OR11G2	chr14:20665494-20666532	0	0	0	1
XLOC_006251	OR11H6	chr14:20691868-20692861	0	0	0	1
XLOC_006252	OR11H4	chr14:20710950-20711925	0	0	0	1

XLOC_006256	RNASE10	chr14:20978630-20979281	0	0	0	1
XLOC_006258	EDDM3A	chr14:21214098-21216539	0	0	0	1
XLOC_006259	EDDM3B	chr14:21236585-21239107	0	0	0	1
XLOC_006260	RNASE6	chr14:21249209-21250626	0	0	0	1
XLOC_006262	ECRP	chr14:21387499-21388335	0	0	0	1
XLOC_006266	TPPP2	chr14:21498344-21500332	0	0	0	1
XLOC_006273	OR4E2	chr14:22133296-22134238	0	0	0	1
XLOC_006280	PSMB11	chr14:23511375-23513269	0	0	0	1
XLOC_006283	IL25	chr14:23842017-23845612	0	0	0	1
XLOC_006284	CMTM5	chr14:23846016-23848981	0	0	0	1
XLOC_006292	CPNE6	chr14:24540755-24547296	0	0	0	1
XLOC_006307	MIR4307	chr14:27377847-27377931	0	0	0	1
XLOC_006308	LINC00645	chr14:28081793-28108842	0	0	0	1
XLOC_006309	FOXG1	chr14:29236277-29239483	0	0	0	1
XLOC_006318	NPAS3	chr14:33408458-34273382	0	0	0	1
XLOC_006319	IGBP1P1	chr14:35409127-35409702	0	0	0	1
XLOC_006324	INSM2	chr14:36003247-36006260	0	0	0	1
XLOC_006326	LINC00609	chr14:36539632-36645857	0	0	0	1
XLOC_006333	MIA2	chr14:39703124-39722575	0	0	0	1
XLOC_006335	LRFN5	chr14:42076763-42373752	0	0	0	1
XLOC_006339	SNORD127	chr14:45553301-45603732	0	0	0	1
XLOC_006352	GNG2	chr14:52327021-52436518	0	0	0	1
XLOC_006354	PTGDR	chr14:52734430-52743442	0	0	0	1
XLOC_006370	OTX2-AS1	chr14:57279900-57397550	0	0	0	1
XLOC_006381	LRR9	chr14:60386430-60530277	0	0	0	1
XLOC_006384	SIX6	chr14:60975937-60978525	0	0	0	1
XLOC_006387	PRKCH	chr14:61788514-62017698	0	0	0	1
XLOC_006388	FLJ22447	chr14:62037257-62121431	0	0	0	1
XLOC_006391	SYT16	chr14:62462540-62568427	0	0	0	1
XLOC_006392	LINC00643	chr14:62584074-62600903	0	0	0	1
XLOC_006393	RHOJ	chr14:63671101-63760230	0	0	0	1
XLOC_006398	HSPA2	chr14:65007185-65009954	0	0	0	1
XLOC_006402	MIR4706	chr14:65381078-65569413	0	0	0	1
XLOC_006405	LINC00238	chr14:66953108-66965271	0	0	0	1
XLOC_006407	FAM71D	chr14:67656109-67695267	0	0	0	1
XLOC_006416	GALNT16	chr14:69726680-69821190	0	0	0	1
XLOC_006425	SNORD56B	chr14:71865053-71865124	0	0	0	1
XLOC_006428	RGS6	chr14:72398816-73033238	0	0	0	1
XLOC_006439	MIR4505	chr14:74181824-74253896	0	0	0	1
XLOC_006445	VSX2	chr14:74706174-74729441	0	0	0	1
XLOC_006446	VRTN	chr14:74815165-74826711	0	0	0	1
XLOC_006456	BATF	chr14:75988783-76013334	0	0	0	1
XLOC_006463	C14orf166B	chr14:77292724-77336645	0	0	0	1
XLOC_006466	MIR1260A	chr14:77731833-77737655	0	0	0	1
XLOC_006473	NRXN3	chr14:78636715-80334633	0	0	0	1
XLOC_006474	DIO2-AS1	chr14:80663867-80921810	0	0	0	1
XLOC_006476	FLRT2	chr14:85996487-86094270	0	0	0	1
XLOC_006477	LOC283585	chr14:87372121-87389099	0	0	0	1
XLOC_006479	LOC283587	chr14:88490893-88553688	0	0	0	1

XLOC_006484	FOXN3-AS2	chr14:89622515-90085494	0	0	0	1
XLOC_006486	KCNK13	chr14:90528107-90652195	0	0	0	1
XLOC_006489	LINC00642	chr14:90921573-90925249	0	0	0	1
XLOC_006502	FAM181A	chr14:94371075-94395954	0	0	0	1
XLOC_006503	LINC00521	chr14:94463615-94478041	0	0	0	1
XLOC_006508	SERPINA4	chr14:95027782-95036243	0	0	0	1
XLOC_006509	SERPINA5	chr14:95047705-95059457	0	0	0	1
XLOC_006511	SERPINA13P	chr14:95107061-95113331	0	0	0	1
XLOC_006514	TCL6	chr14:96117514-96139789	0	0	0	1
XLOC_006515	TCL1B	chr14:96152753-96158980	0	0	0	1
XLOC_006516	LINC00617	chr14:96343108-96391908	0	0	0	1
XLOC_006518	BDKRB2	chr14:96671134-96710666	0	0	0	1
XLOC_006519	BDKRB1	chr14:96722546-96731100	0	0	0	1
XLOC_006524	C14orf177	chr14:99177949-99184103	0	0	0	1
XLOC_006526	HHIPL1	chr14:100111479-100143011	0	0	0	1
XLOC_006527	MIR5698	chr14:100111479-100143011	0	0	0	1
XLOC_006529	EML1	chr14:100259744-100408395	0	0	0	1
XLOC_006530	EVL	chr14:100531750-100610573	0	0	0	1
XLOC_006532	MIR345	chr14:100774195-100774293	0	0	0	1
XLOC_006533	SLC25A47	chr14:100789678-100796715	0	0	0	1
XLOC_006535	LINC00523	chr14:101123604-101139081	0	0	0	1
XLOC_006536	DLK1	chr14:101193201-101201467	0	0	0	1
XLOC_006537	MIR2392	chr14:101280827-101280911	0	0	0	1
XLOC_006538	MEG3,MIR770	chr14:101292444-101327360	0	0	0	1
XLOC_006539	MIR493	chr14:101335396-101335485	0	0	0	1
XLOC_006540	MIR337	chr14:101340829-101340922	0	0	0	1
XLOC_006541	MIR665	chr14:101341369-101341441	0	0	0	1
XLOC_006542	MIR431	chr14:101346991-101351184	0	0	0	1
XLOC_006543	MIR433	chr14:101346991-101351184	0	0	0	1
XLOC_006544	MIR127	chr14:101346991-101351184	0	0	0	1
XLOC_006545	MIR432	chr14:101346991-101351184	0	0	0	1
XLOC_006546	MIR136	chr14:101346991-101351184	0	0	0	1
XLOC_006547	MEG8	chr14:101361106-101373305	0	0	0	1
XLOC_006548	SNORD113-1	chr14:101391157-101391227	0	0	0	1
XLOC_006549	SNORD113-2	chr14:101393678-101393749	0	0	0	1
XLOC_006550	SNORD113-4	chr14:101402827-101402901	0	0	0	1
XLOC_006551	SNORD113-5	chr14:101404523-101404600	0	0	0	1
XLOC_006552	SNORD113-6	chr14:101405892-101405966	0	0	0	1
XLOC_006553	SNORD113-7	chr14:101407462-101407538	0	0	0	1
XLOC_006554	SNORD113-9	chr14:101411985-101412056	0	0	0	1
XLOC_006555	SNORD114-1	chr14:101416169-101416240	0	0	0	1
XLOC_006556	SNORD114-2	chr14:101418192-101418269	0	0	0	1
XLOC_006557	SNORD114-3	chr14:101419685-101419759	0	0	0	1
XLOC_006558	SNORD114-4	chr14:101420680-101420784	0	0	0	1
XLOC_006559	SNORD114-5	chr14:101421706-101421775	0	0	0	1
XLOC_006560	SNORD114-6	chr14:101423502-101423573	0	0	0	1
XLOC_006561	SNORD114-7	chr14:101429390-101429466	0	0	0	1
XLOC_006562	SNORD114-8	chr14:101431117-101431188	0	0	0	1
XLOC_006563	SNORD114-9	chr14:101432365-101432436	0	0	0	1

XLOC_006564	SNORD114-10	chr14:101433388-101433459	0	0	0	1
XLOC_006565	SNORD114-11	chr14:101434447-101434521	0	0	0	1
XLOC_006566	SNORD114-12	chr14:101435284-101435358	0	0	0	1
XLOC_006567	SNORD114-13	chr14:101436215-101436288	0	0	0	1
XLOC_006568	SNORD114-14	chr14:101438439-101438513	0	0	0	1
XLOC_006569	SNORD114-15	chr14:101439006-101439077	0	0	0	1
XLOC_006570	SNORD114-16	chr14:101439931-101440000	0	0	0	1
XLOC_006571	SNORD114-17	chr14:101441142-101441216	0	0	0	1
XLOC_006572	SNORD114-18	chr14:101442161-101442232	0	0	0	1
XLOC_006573	SNORD114-19	chr14:101442813-101442887	0	0	0	1
XLOC_006574	SNORD114-20	chr14:101447340-101447411	0	0	0	1
XLOC_006575	SNORD114-21	chr14:101448311-101448382	0	0	0	1
XLOC_006576	SNORD114-22	chr14:101449262-101449333	0	0	0	1
XLOC_006577	SNORD114-23	chr14:101450212-101450283	0	0	0	1
XLOC_006578	SNORD114-24	chr14:101451113-101451184	0	0	0	1
XLOC_006579	SNORD114-25	chr14:101452393-101452464	0	0	0	1
XLOC_006580	SNORD114-26	chr14:101453382-101453453	0	0	0	1
XLOC_006581	SNORD114-27	chr14:101454497-101454566	0	0	0	1
XLOC_006582	SNORD114-28	chr14:101455466-101455537	0	0	0	1
XLOC_006583	SNORD114-29	chr14:101456427-101456496	0	0	0	1
XLOC_006584	SNORD114-30	chr14:101458255-101458326	0	0	0	1
XLOC_006585	SNORD114-31	chr14:101459572-101459646	0	0	0	1
XLOC_006586	MIR379	chr14:101488402-101488469	0	0	0	1
XLOC_006587	MIR411	chr14:101489661-101489757	0	0	0	1
XLOC_006588	MIR299	chr14:101490130-101490193	0	0	0	1
XLOC_006589	MIR380	chr14:101491353-101491414	0	0	0	1
XLOC_006590	MIR1197	chr14:101491900-101491988	0	0	0	1
XLOC_006591	MIR323A	chr14:101492068-101492154	0	0	0	1
XLOC_006592	MIR758	chr14:101492356-101492444	0	0	0	1
XLOC_006593	MIR329-1	chr14:101493121-101493201	0	0	0	1
XLOC_006594	MIR329-2	chr14:101493436-101493520	0	0	0	1
XLOC_006595	MIR494	chr14:101495970-101496051	0	0	0	1
XLOC_006596	MIR1193	chr14:101496388-101496466	0	0	0	1
XLOC_006597	MIR543	chr14:101498323-101498401	0	0	0	1
XLOC_006598	MIR495	chr14:101500091-101500173	0	0	0	1
XLOC_006599	MIR376C	chr14:101506026-101506092	0	0	0	1
XLOC_006600	MIR376A2	chr14:101506405-101506485	0	0	0	1
XLOC_006601	MIR654	chr14:101506555-101506636	0	0	0	1
XLOC_006602	MIR376B	chr14:101506772-101506872	0	0	0	1
XLOC_006603	MIR376A1	chr14:101507118-101507186	0	0	0	1
XLOC_006604	MIR300	chr14:101507699-101507781	0	0	0	1
XLOC_006605	MIR1185-1	chr14:101509313-101509398	0	0	0	1
XLOC_006606	MIR1185-2	chr14:101510534-101510619	0	0	0	1
XLOC_006607	MIR381	chr14:101512256-101512331	0	0	0	1
XLOC_006608	MIR487B	chr14:101512791-101512875	0	0	0	1
XLOC_006609	MIR539	chr14:101513657-101513735	0	0	0	1
XLOC_006610	MIR889	chr14:101514237-101514316	0	0	0	1
XLOC_006611	MIR655	chr14:101515886-101515983	0	0	0	1
XLOC_006612	MIR487A	chr14:101518782-101518862	0	0	0	1

XLOC_006613	MIR382	chr14:101520642-101520718	0	0	0	1
XLOC_006614	MIR134	chr14:101521023-101521096	0	0	0	1
XLOC_006615	MIR668	chr14:101521594-101521660	0	0	0	1
XLOC_006616	MIR485	chr14:101521755-101521828	0	0	0	1
XLOC_006617	MIR323B	chr14:101522555-101522637	0	0	0	1
XLOC_006618	MIR154	chr14:101526091-101526175	0	0	0	1
XLOC_006619	MIR496	chr14:101526909-101527011	0	0	0	1
XLOC_006620	MIR377	chr14:101528386-101528455	0	0	0	1
XLOC_006621	MIR541	chr14:101530831-101530915	0	0	0	1
XLOC_006622	MIR409	chr14:101531636-101531715	0	0	0	1
XLOC_006623	MIR412	chr14:101531783-101531874	0	0	0	1
XLOC_006624	MIR369	chr14:101531934-101532004	0	0	0	1
XLOC_006625	MIR410	chr14:101532248-101532328	0	0	0	1
XLOC_006626	MIR656	chr14:101533060-101533138	0	0	0	1
XLOC_006627	MEG9	chr14:101536247-101539273	0	0	0	1
XLOC_006635	MIR4309	chr14:103005980-103006063	0	0	0	1
XLOC_006649	TDRD9	chr14:104394816-104519004	0	0	0	1
XLOC_006651	MIR203	chr14:104583741-104583851	0	0	0	1
XLOC_006660	PLD4	chr14:105391186-105399573	0	0	0	1
XLOC_006670	KIAA0125	chr14:106383837-106398502	0	0	0	1
XLOC_006671	LINC00226	chr14:106744268-106744966	0	0	0	1
XLOC_006672	LINC00221	chr14:106938454-106951529	0	0	0	1
XLOC_006673	LOC642426	chr14:19407014-19410111	0	0	0	1
XLOC_006674	LOC101101776	chr14:19670791-19681016	0	0	0	1
XLOC_006675	POTEM	chr14:19983953-20020272	0	0	0	1
XLOC_006676	OR11H2	chr14:20181062-20182491	0	0	0	1
XLOC_006677	OR4K14	chr14:20482419-20483352	0	0	0	1
XLOC_006678	OR4K13	chr14:20502002-20502917	0	0	0	1
XLOC_006681	SNORD126	chr14:20779526-20801471	0	0	0	1
XLOC_006684	KLHL33	chr14:20896969-20903801	0	0	0	1
XLOC_006687	RNASE9	chr14:21024251-21029090	0	0	0	1
XLOC_006689	OR6S1	chr14:21108854-21109850	0	0	0	1
XLOC_006690	RNASE1	chr14:21269514-21271036	0	0	0	1
XLOC_006692	RNASE13	chr14:21500978-21502944	0	0	0	1
XLOC_006694	OR5AU1	chr14:21623095-21624184	0	0	0	1
XLOC_006703	SALL2	chr14:21989231-22005337	0	0	0	1
XLOC_006704	OR10G3	chr14:22037933-22038875	0	0	0	1
XLOC_006705	OR10G2	chr14:22102065-22102998	0	0	0	1
XLOC_006716	CEBPE	chr14:23586514-23588820	0	0	0	1
XLOC_006717	SLC7A8	chr14:23594503-23652869	0	0	0	1
XLOC_006720	SLC22A17	chr14:23815526-23822080	0	0	0	1
XLOC_006721	EF3	chr14:23825610-23834842	0	0	0	1
XLOC_006723	MIR208A	chr14:23851198-23877486	0	0	0	1
XLOC_006725	MIR208B	chr14:23881946-23904870	0	0	0	1
XLOC_006742	RIPK3	chr14:24805226-24809242	0	0	0	1
XLOC_006745	CMA1	chr14:24974711-24977471	0	0	0	1
XLOC_006746	CTSG	chr14:25042723-25045466	0	0	0	1
XLOC_006747	GZMH	chr14:25075685-25078926	0	0	0	1
XLOC_006748	GZMB	chr14:25100160-25103432	0	0	0	1

XLOC_006750	NOVA1	chr14:26915088-27066960	0	0	0	1
XLOC_006751	MIR548AI	chr14:29896116-30396899	0	0	0	1
XLOC_006755	MIR624	chr14:31363004-31565656	0	0	0	1
XLOC_006759	GPR33	chr14:31952149-31957151	0	0	0	1
XLOC_006772	SFTA3	chr14:36942493-36982990	0	0	0	1
XLOC_006773	NKX2-1	chr14:36985603-36989430	0	0	0	1
XLOC_006774	NKX2-8	chr14:37049215-37051786	0	0	0	1
XLOC_006776	MIR4503	chr14:37147125-37642998	0	0	0	1
XLOC_006778	CLEC14A	chr14:38723204-38725575	0	0	0	1
XLOC_006779	LINC00639	chr14:39218542-39386086	0	0	0	1
XLOC_006784	FSCB	chr14:44973353-44976499	0	0	0	1
XLOC_006788	RPL10L	chr14:47120219-47121028	0	0	0	1
XLOC_006789	MDGA2	chr14:47308827-48144157	0	0	0	1
XLOC_006790	MIR548Y	chr14:48230197-48230307	0	0	0	1
XLOC_006791	LINC00648	chr14:48234155-48264217	0	0	0	1
XLOC_006816	MIR5580	chr14:54415144-54415202	0	0	0	1
XLOC_006821	MIR4308	chr14:55308723-55369542	0	0	0	1
XLOC_006825	TBPL2	chr14:55880929-55907263	0	0	0	1
XLOC_006840	C14orf39	chr14:60902673-60952764	0	0	0	1
XLOC_006841	SIX1	chr14:61111416-61116155	0	0	0	1
XLOC_006844	TMEM30B	chr14:61744088-61748530	0	0	0	1
XLOC_006846	KCNH5	chr14:63173944-63568584	0	0	0	1
XLOC_006847	GPHB5	chr14:63779548-63785593	0	0	0	1
XLOC_006858	MIR4708	chr14:65801835-65801901	0	0	0	1
XLOC_006871	CCDC177	chr14:70036530-70041600	0	0	0	1
XLOC_006874	SLC8A3	chr14:70510933-70655787	0	0	0	1
XLOC_006904	RNU6-6	chr14:76737449-76737476	0	0	0	1
XLOC_006907	ZDHHC22	chr14:77597612-77608134	0	0	0	1
XLOC_006908	NGB	chr14:77731833-77737655	0	0	0	1
XLOC_006917	DIO2	chr14:80663867-80921810	0	0	0	1
XLOC_006923	GALC	chr14:88399357-88460009	0	0	0	1
XLOC_006924	KCNK10	chr14:88646451-88793256	0	0	0	1
XLOC_006935	CATSPERB	chr14:92047117-92198413	0	0	0	1
XLOC_006946	PRIMA1	chr14:94184643-94254766	0	0	0	1
XLOC_006947	FAM181A-AS1	chr14:94371075-94395954	0	0	0	1
XLOC_006948	ASB2	chr14:94400498-94443076	0	0	0	1
XLOC_006954	SERPINA11	chr14:94908800-94919122	0	0	0	1
XLOC_006955	SERPINA9	chr14:94929057-94942670	0	0	0	1
XLOC_006956	SERPINA12	chr14:94953619-94984181	0	0	0	1
XLOC_006957	GSC	chr14:95234559-95236499	0	0	0	1
XLOC_006959	MIR3173	chr14:95552564-95623759	0	0	0	1
XLOC_006961	LINC00341	chr14:95873603-95876427	0	0	0	1
XLOC_006962	SYNE3	chr14:95883830-95942173	0	0	0	1
XLOC_006964	TCL1A	chr14:96176303-96180533	0	0	0	1
XLOC_006966	LOC100129345	chr14:98098983-98152995	0	0	0	1
XLOC_006967	C14orf64	chr14:98391946-98444461	0	0	0	1
XLOC_006975	RTL1	chr14:101346991-101351184	0	0	0	1
XLOC_006976	DIO3OS	chr14:102018559-102022013	0	0	0	1
XLOC_006977	MIR1247	chr14:102026623-102026759	0	0	0	1

XLOC_006983	LINC00605	chr14:103653557-103655365	0	0	0	1
XLOC_006989	RD3L	chr14:104394816-104519004	0	0	0	1
XLOC_006990	MIR3545	chr14:104583741-104583851	0	0	0	1
XLOC_006991	TMEM179	chr14:105060419-105071097	0	0	0	1
XLOC_006992	MIR4710	chr14:105144030-105144086	0	0	0	1
XLOC_007000	ELK2AP	chr14:106135913-106139144	0	0	0	1
XLOC_007001	ADAM6	chr14:106435818-106438358	0	0	0	1
XLOC_007002	CHEK2P2	chr15:20487996-20496811	0	0	0	1
XLOC_007003	GOLGA8CP	chr15:20767673-20781026	0	0	0	1
XLOC_007004	CT60	chr15:21145766-21198633	0	0	0	1
XLOC_007005	OR4M2	chr15:22278031-22371088	0	0	0	1
XLOC_007006	OR4N4	chr15:22382472-22383815	0	0	0	1
XLOC_007008	RERP3	chr15:22546564-22570831	0	0	0	1
XLOC_007009	GOLGA6L1	chr15:22736245-22746002	0	0	0	1
XLOC_007014	GOLGA8EP	chr15:23435069-23448423	0	0	0	1
XLOC_007016	MKRN3	chr15:23810453-23813166	0	0	0	1
XLOC_007017	PWRN1	chr15:24803303-24832926	0	0	0	1
XLOC_007022	SNORD109A	chr15:25287120-25287187	0	0	0	1
XLOC_007023	SNORD116-1	chr15:25296622-25296719	0	0	0	1
XLOC_007024	SNORD116-2	chr15:25299355-25299452	0	0	0	1
XLOC_007025	SNORD116-9	chr15:25302005-25302102	0	0	0	1
XLOC_007026	SNORD116-4	chr15:25304683-25304781	0	0	0	1
XLOC_007027	SNORD116-5	chr15:25307478-25307575	0	0	0	1
XLOC_007028	SNORD116-6	chr15:25310171-25310269	0	0	0	1
XLOC_007029	SNORD116-7	chr15:25312933-25313030	0	0	0	1
XLOC_007030	SNORD116-8	chr15:25315577-25315674	0	0	0	1
XLOC_007031	SNORD116-9	chr15:25318252-25318349	0	0	0	1
XLOC_007032	SNORD116-10	chr15:25319259-25319363	0	0	0	1
XLOC_007033	SNORD116-11	chr15:25321074-25321168	0	0	0	1
XLOC_007034	SNORD116-12	chr15:25322196-25322290	0	0	0	1
XLOC_007035	SNORD116-13	chr15:25324203-25324297	0	0	0	1
XLOC_007036	SNORD116-14	chr15:25325287-25325381	0	0	0	1
XLOC_007037	SNORD116-15	chr15:25326432-25326526	0	0	0	1
XLOC_007038	SNORD116-16	chr15:25327913-25328007	0	0	0	1
XLOC_007039	SNORD116-17	chr15:25328733-25328827	0	0	0	1
XLOC_007040	SNORD116-18	chr15:25330530-25330624	0	0	0	1
XLOC_007041	SNORD116-19	chr15:25331672-25331766	0	0	0	1
XLOC_007042	SNORD116-20	chr15:25332807-25332901	0	0	0	1
XLOC_007043	SNORD116-21	chr15:25333949-25334043	0	0	0	1
XLOC_007044	SNORD116-22	chr15:25335068-25335162	0	0	0	1
XLOC_007045	SNORD116-23	chr15:25336931-25337025	0	0	0	1
XLOC_007046	SNORD116-24	chr15:25339182-25339276	0	0	0	1
XLOC_007047	SNORD116-25	chr15:25342808-25342902	0	0	0	1
XLOC_007048	SNORD116-26	chr15:25344644-25344742	0	0	0	1
XLOC_007049	SNORD116-27	chr15:25346720-25346814	0	0	0	1
XLOC_007050	SNORD116-28	chr15:25349787-25349880	0	0	0	1
XLOC_007051	SNORD116-29	chr15:25351666-25351751	0	0	0	1
XLOC_007052	IPW	chr15:25361691-25367623	0	0	0	1
XLOC_007053	PAR1	chr15:25380788-25383200	0	0	0	1

XLOC_007054	SNORD115-1	chr15:25415869-25415951	0	0	0	1
XLOC_007055	SNORD115-2	chr15:25417781-25417863	0	0	0	1
XLOC_007056	SNORD115-3	chr15:25420073-25420155	0	0	0	1
XLOC_007057	SNORD115-4	chr15:25421978-25422060	0	0	0	1
XLOC_007058	SNORD115-5	chr15:25423884-25423966	0	0	0	1
XLOC_007059	SNORD115-6	chr15:25425643-25425725	0	0	0	1
XLOC_007060	SNORD115-7	chr15:25427531-25427613	0	0	0	1
XLOC_007061	SNORD115-8	chr15:25429452-25429534	0	0	0	1
XLOC_007062	SNORD115-9	chr15:25430777-25430859	0	0	0	1
XLOC_007063	SNORD115-10	chr15:25432682-25432763	0	0	0	1
XLOC_007064	SNORD115-43	chr15:25434560-25434642	0	0	0	1
XLOC_007065	SNORD115-10	chr15:25436562-25436644	0	0	0	1
XLOC_007066	SNORD115-13	chr15:25438467-25438549	0	0	0	1
XLOC_007067	SNORD115-14	chr15:25440067-25440148	0	0	0	1
XLOC_007068	SNORD115-16	chr15:25444594-25444676	0	0	0	1
XLOC_007069	SNORD115-18	chr15:25446469-25446551	0	0	0	1
XLOC_007070	SNORD115-18	chr15:25448373-25448455	0	0	0	1
XLOC_007071	SNORD115-17	chr15:25449503-25449585	0	0	0	1
XLOC_007072	SNORD115-15,Sh	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007073	SNORD115-22	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007074	PAR4	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007075	SNORD115-24	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007076	SNORD115-25	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007077	SNORD115-26	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007078	SNORD115-27	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007079	SNORD115-28	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007080	SNORD115-11	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007081	SNORD115-30	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007082	SNORD115-31	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007083	SNORD115-32	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007084	SNORD115-33	chr15:25451408-25477615	0	0	0	1
XLOC_007085	SNORD115-35	chr15:25479393-25479475	0	0	0	1
XLOC_007086	SNORD115-11	chr15:25481231-25481313	0	0	0	1
XLOC_007087	SNORD115-37	chr15:25483132-25483214	0	0	0	1
XLOC_007088	SNORD115-38	chr15:25484984-25485066	0	0	0	1
XLOC_007089	SNORD115-39	chr15:25486892-25486974	0	0	0	1
XLOC_007090	SNORD115-40	chr15:25488760-25488842	0	0	0	1
XLOC_007091	SNORD115-41	chr15:25490624-25490706	0	0	0	1
XLOC_007092	SNORD115-10	chr15:25492491-25492573	0	0	0	1
XLOC_007093	SNORD115-11	chr15:25494344-25494426	0	0	0	1
XLOC_007094	SNORD115-44	chr15:25496005-25496087	0	0	0	1
XLOC_007095	SNORD115-45	chr15:25509673-25509726	0	0	0	1
XLOC_007096	SNORD115-47	chr15:25513663-25513696	0	0	0	1
XLOC_007097	SNORD115-48	chr15:25514929-25515005	0	0	0	1
XLOC_007098	SNORD109B	chr15:25523489-25523556	0	0	0	1
XLOC_007099	LOC100128714	chr15:26147506-26298267	0	0	0	1
XLOC_007100	LOC503519	chr15:26360959-26378184	0	0	0	1
XLOC_007101	GABRA5	chr15:27111865-27194357	0	0	0	1
XLOC_007102	GABRG3	chr15:27216428-27778373	0	0	0	1

XLOC_007103	GOLGA8F,GOLG	chr15:28623783-28637171	0	0	0	1
XLOC_007104	MIR4509-1	chr15:28671636-28671730	0	0	0	1
XLOC_007107	LOC100289656	chr15:29033388-29034538	0	0	0	1
XLOC_007110	ULK4P3	chr15:30395934-30423948	0	0	0	1
XLOC_007113	ULK4P2	chr15:30864757-30892911	0	0	0	1
XLOC_007122	GREM1	chr15:33010204-33026870	0	0	0	1
XLOC_007129	ATPBD4-AS1	chr15:35663169-36151202	0	0	0	1
XLOC_007130	MIR4510	chr15:36219056-36219124	0	0	0	1
XLOC_007132	TMCO5A	chr15:38227456-38243623	0	0	0	1
XLOC_007135	C15orf53	chr15:38988798-38992239	0	0	0	1
XLOC_007136	C15orf54	chr15:39542884-39547048	0	0	0	1
XLOC_007137	THBS1	chr15:39873279-39889668	0	0	0	1
XLOC_007141	PHGR1	chr15:40643233-40648634	0	0	0	1
XLOC_007164	MIR626	chr15:41952609-42062141	0	0	0	1
XLOC_007176	RNU6-28	chr15:43663312-43910998	0	0	0	1
XLOC_007188	C15orf43	chr15:45248899-45271421	0	0	0	1
XLOC_007190	DUOXA2	chr15:45406522-45422075	0	0	0	1
XLOC_007199	SEMA6D	chr15:47476402-48066420	0	0	0	1
XLOC_007200	SLC24A5	chr15:48413168-48470558	0	0	0	1
XLOC_007201	CTXN2	chr15:48483866-48495951	0	0	0	1
XLOC_007202	SLC12A1	chr15:48498497-48596275	0	0	0	1
XLOC_007211	MIR4712	chr15:50652525-50652607	0	0	0	1
XLOC_007215	MIR4713	chr15:51500253-51630795	0	0	0	1
XLOC_007216	GLDN	chr15:51633712-51700209	0	0	0	1
XLOC_007221	UNC13C	chr15:54305100-54920806	0	0	0	1
XLOC_007229	AQP9	chr15:58430407-58478110	0	0	0	1
XLOC_007230	LIPC	chr15:58724174-58861073	0	0	0	1
XLOC_007236	GCNT3	chr15:59903981-59912210	0	0	0	1
XLOC_007237	FOXB1	chr15:60296420-60298142	0	0	0	1
XLOC_007240	MIR190A	chr15:62939509-63136829	0	0	0	1
XLOC_007254	KBTBD13	chr15:65369153-65372276	0	0	0	1
XLOC_007258	MIR4311	chr15:66187633-66546075	0	0	0	1
XLOC_007271	MIR548H4	chr15:69116302-69564544	0	0	0	1
XLOC_007272	NOX5,SPESP1	chr15:69116302-69564544	0	0	0	1
XLOC_007273	LINC00277	chr15:69116302-69564544	0	0	0	1
XLOC_007279	LINC00593	chr15:70127572-70135306	0	0	0	1
XLOC_007285	TMEM202	chr15:72690667-72700708	0	0	0	1
XLOC_007287	MIR630	chr15:72879557-72879654	0	0	0	1
XLOC_007288	GOLGA6B	chr15:72947037-72959738	0	0	0	1
XLOC_007292	C15orf60	chr15:73735498-73925753	0	0	0	1
XLOC_007294	TBC1D21	chr15:74165967-74181556	0	0	0	1
XLOC_007297	ISLR2	chr15:74421714-74429143	0	0	0	1
XLOC_007298	ISLR	chr15:74466086-74469212	0	0	0	1
XLOC_007299	CCDC33	chr15:74528629-74628482	0	0	0	1
XLOC_007300	LOC729739	chr15:74630102-74660081	0	0	0	1
XLOC_007306	LMAN1L	chr15:75105193-75118099	0	0	0	1
XLOC_007313	GOLGA6D	chr15:75575181-75588148	0	0	0	1
XLOC_007321	ISL2	chr15:76629146-76634816	0	0	0	1
XLOC_007325	LOC253044	chr15:77934105-77941581	0	0	0	1

XLOC_007326	MIR5003	chr15:78375874-78375901	0	0	0	1
XLOC_007327	SH2D7	chr15:78384926-78396393	0	0	0	1
XLOC_007330	CRABP1	chr15:78632665-78640572	0	0	0	1
XLOC_007337	MIR184	chr15:79484048-79590581	0	0	0	1
XLOC_007338	ANKRD34C	chr15:79484048-79590581	0	0	0	1
XLOC_007348	C15orf26	chr15:81426643-81441516	0	0	0	1
XLOC_007351	LOC390660	chr15:82585620-82626915	0	0	0	1
XLOC_007352	UBE2Q2P2,UBE2	chr15:82647285-82708204	0	0	0	1
XLOC_007353	GOLGA6L9	chr15:82722184-82731586	0	0	0	1
XLOC_007354	LOC440297	chr15:82753446-82798352	0	0	0	1
XLOC_007355	LOC390660	chr15:82882945-82924242	0	0	0	1
XLOC_007359	LOC440297	chr15:83130032-83182930	0	0	0	1
XLOC_007360	LOC283692	chr15:83211950-83378635	0	0	0	1
XLOC_007361	SCARNA15	chr15:83424696-83424823	0	0	0	1
XLOC_007364	MIR4515	chr15:83685180-83736167	0	0	0	1
XLOC_007365	TM6SF1	chr15:83776323-83806111	0	0	0	1
XLOC_007367	ADAMTSL3	chr15:84322837-84708593	0	0	0	1
XLOC_007368	EFTUD1P1	chr15:84748938-84795353	0	0	0	1
XLOC_007378	SLC28A1	chr15:85427912-85489027	0	0	0	1
XLOC_007381	AGBL1	chr15:86685241-87572283	0	0	0	1
XLOC_007382	LINC00052	chr15:88120159-88122917	0	0	0	1
XLOC_007383	NTRK3-AS1	chr15:88419987-88814297	0	0	0	1
XLOC_007385	MIR1179	chr15:89151337-89151428	0	0	0	1
XLOC_007386	MIR7-2	chr15:89155055-89155165	0	0	0	1
XLOC_007389	ACAN	chr15:89346673-89418585	0	0	0	1
XLOC_007392	MIR9-3	chr15:89911247-89911337	0	0	0	1
XLOC_007393	LOC254559	chr15:89921272-89941718	0	0	0	1
XLOC_007414	ST8SIA2	chr15:92937139-93011958	0	0	0	1
XLOC_007415	C15orf32	chr15:93014906-93044347	0	0	0	1
XLOC_007419	MIR3175	chr15:93443550-93571237	0	0	0	1
XLOC_007422	LOC145820	chr15:95976321-96051076	0	0	0	1
XLOC_007424	MIR1469	chr15:96869156-96883492	0	0	0	1
XLOC_007425	SPATA8	chr15:97326678-97328845	0	0	0	1
XLOC_007428	MIR4714	chr15:99192760-99507759	0	0	0	1
XLOC_007436	OR4F6	chr15:102345922-102346861	0	0	0	1
XLOC_007437	OR4F15	chr15:102358389-102359328	0	0	0	1
XLOC_007438	OR4F13P	chr15:102382321-102390527	0	0	0	1
XLOC_007439	FAM138E	chr15:102495087-102496558	0	0	0	1
XLOC_007442	GOLGA6L6	chr15:20737093-20747114	0	0	0	1
XLOC_007443	NBEAP1	chr15:20874796-20961480	0	0	0	1
XLOC_007444	POTEB	chr15:21040700-21071977	0	0	0	1
XLOC_007445	NF1P2	chr15:21122020-21134625	0	0	0	1
XLOC_007447	CXADRP2	chr15:22014419-22016878	0	0	0	1
XLOC_007448	POTEB	chr15:22051852-22083137	0	0	0	1
XLOC_007449	NF1P2	chr15:22133180-22145802	0	0	0	1
XLOC_007450	MIR4509-3	chr15:22675147-22675241	0	0	0	1
XLOC_007457	LOC440243	chr15:23569671-23579379	0	0	0	1
XLOC_007458	MIR4508	chr15:23807208-23807278	0	0	0	1
XLOC_007459	MAGEL2	chr15:23888695-23892993	0	0	0	1

XLOC_007460	NDN	chr15:23930553-23932450	0	0	0	1
XLOC_007461	PWRN2	chr15:24409925-24415053	0	0	0	1
XLOC_007463	ATP10A	chr15:25923859-26108349	0	0	0	1
XLOC_007464	MIR4715	chr15:25923859-26108349	0	0	0	1
XLOC_007466	OCA2	chr15:28000022-28344458	0	0	0	1
XLOC_007468	MIR4509-1	chr15:28735897-28735991	0	0	0	1
XLOC_007469	GOLGA8F,GOLG	chr15:28764756-28778143	0	0	0	1
XLOC_007470	GOLGA6L7P	chr15:29034979-29101720	0	0	0	1
XLOC_007471	FAM189A1	chr15:29412454-29862927	0	0	0	1
XLOC_007476	TRPM1	chr15:31293263-31453476	0	0	0	1
XLOC_007477	MIR211	chr15:31293263-31453476	0	0	0	1
XLOC_007478	LOC283710	chr15:31514970-31523050	0	0	0	1
XLOC_007483	TMCO5B	chr15:33528676-33539756	0	0	0	1
XLOC_007491	MIR1233-2	chr15:34671269-34729667	0	0	0	1
XLOC_007493	MIR1233-1	chr15:34817483-34875771	0	0	0	1
XLOC_007494	GJD2	chr15:35044641-35046782	0	0	0	1
XLOC_007499	MIR3942	chr15:35663169-36151202	0	0	0	1
XLOC_007501	LOC145845	chr15:37156643-37178734	0	0	0	1
XLOC_007505	GPR176	chr15:40091222-40213093	0	0	0	1
XLOC_007526	MIR4310	chr15:42120282-42186275	0	0	0	1
XLOC_007530	PLA2G4F	chr15:42433331-42448839	0	0	0	1
XLOC_007532	MIR627	chr15:42450898-42500502	0	0	0	1
XLOC_007539	EPB42	chr15:43489425-43513323	0	0	0	1
XLOC_007540	TGM5	chr15:43524792-43559055	0	0	0	1
XLOC_007541	TGM7	chr15:43568478-43594453	0	0	0	1
XLOC_007542	LCMT2	chr15:43619973-43622820	0	0	0	1
XLOC_007569	MIR4716	chr15:49447975-49913118	0	0	0	1
XLOC_007578	TNFAIP8L3	chr15:51348798-51397473	0	0	0	1
XLOC_007579	CYP19A1	chr15:51500253-51630795	0	0	0	1
XLOC_007586	MIR1266	chr15:52484514-52587995	0	0	0	1
XLOC_007590	ONECUT1	chr15:53049159-53082209	0	0	0	1
XLOC_007591	WDR72	chr15:53805937-54051859	0	0	0	1
XLOC_007595	MIR628	chr15:55611132-55800432	0	0	0	1
XLOC_007596	PYGO1	chr15:55838220-55881050	0	0	0	1
XLOC_007597	PRTG	chr15:55903738-56035177	0	0	0	1
XLOC_007603	ALDH1A2	chr15:58245621-58358121	0	0	0	1
XLOC_007608	MIR2116	chr15:59428167-59665071	0	0	0	1
XLOC_007615	C2CD4B	chr15:62455736-62457482	0	0	0	1
XLOC_007616	MGC15885	chr15:62929370-62937380	0	0	0	1
XLOC_007628	MIR1272	chr15:65032094-65067770	0	0	0	1
XLOC_007643	MIR4511	chr15:65952956-66084631	0	0	0	1
XLOC_007649	SNORD18C	chr15:66791652-66797193	0	0	0	1
XLOC_007650	SNORD18B	chr15:66791652-66797193	0	0	0	1
XLOC_007652	SNORD18A	chr15:66791652-66797193	0	0	0	1
XLOC_007660	MIR4312	chr15:69070874-69113261	0	0	0	1
XLOC_007663	MIR629	chr15:70340542-70390256	0	0	0	1
XLOC_007665	LARP6	chr15:71123888-71146498	0	0	0	1
XLOC_007667	CT62	chr15:71402582-71407839	0	0	0	1
XLOC_007669	GRAMD2	chr15:72452146-72490136	0	0	0	1

XLOC_007676	HCN4	chr15:73612199-73661605	0	0	0	1
XLOC_007678	C15orf59	chr15:74032140-74043816	0	0	0	1
XLOC_007681	GOLGA6A	chr15:74362197-74374891	0	0	0	1
XLOC_007683	STRA6	chr15:74471807-74502046	0	0	0	1
XLOC_007684	CYP11A1	chr15:74630102-74660081	0	0	0	1
XLOC_007689	MIR4513	chr15:75074424-75095539	0	0	0	1
XLOC_007695	MIR631	chr15:75639330-75647592	0	0	0	1
XLOC_007703	MIR4313	chr15:76054555-76054656	0	0	0	1
XLOC_007712	LINGO1	chr15:77905368-77924709	0	0	0	1
XLOC_007713	LOC645752	chr15:78206558-78219188	0	0	0	1
XLOC_007720	CHRNA4	chr15:78916635-78933587	0	0	0	1
XLOC_007724	LOC729911	chr15:79484048-79590581	0	0	0	1
XLOC_007727	LOC283688	chr15:80555409-80634147	0	0	0	1
XLOC_007728	MIR549	chr15:81071711-81243999	0	0	0	1
XLOC_007730	MIR4514	chr15:81289757-81289814	0	0	0	1
XLOC_007732	TMC3	chr15:81624759-81666418	0	0	0	1
XLOC_007750	HDGFRP3	chr15:83806803-83876770	0	0	0	1
XLOC_007751	BNC1	chr15:83924654-83953468	0	0	0	1
XLOC_007758	LOC642423	chr15:85747906-85748518	0	0	0	1
XLOC_007760	MIR1276	chr15:86302558-86338189	0	0	0	1
XLOC_007761	LOC727915	chr15:86685241-87572283	0	0	0	1
XLOC_007765	MIR3529	chr15:89155055-89155165	0	0	0	1
XLOC_007768	RLBP1	chr15:89753097-89764922	0	0	0	1
XLOC_007770	RHCG	chr15:90014637-90039799	0	0	0	1
XLOC_007771	LOC283761	chr15:90048160-90067265	0	0	0	1
XLOC_007778	MIR5094	chr15:90373830-90456222	0	0	0	1
XLOC_007781	GABARAPL3	chr15:90889762-90892679	0	0	0	1
XLOC_007787	RGMA	chr15:93586635-93632443	0	0	0	1
XLOC_007788	LOC400456	chr15:95822518-95870329	0	0	0	1
XLOC_007790	FAM169B	chr15:98980390-99057611	0	0	0	1
XLOC_007791	PGPEP1L	chr15:99511458-99551024	0	0	0	1
XLOC_007794	DNM1P46	chr15:100330360-100347132	0	0	0	1
XLOC_007806	OR4F4	chr15:102462344-102463262	0	0	0	1
XLOC_007807	DDX11L9	chr15:102501015-102519296	0	0	0	1
XLOC_007808	DDX11L10	chr16:61554-64090	0	0	0	1
XLOC_007811	HBZ	chr16:202853-204504	0	0	0	1
XLOC_007812	HBM	chr16:215972-216767	0	0	0	1
XLOC_007815	HBQ1	chr16:230332-231178	0	0	0	1
XLOC_007824	MIR5587	chr16:577855-604636	0	0	0	1
XLOC_007825	MIR3176	chr16:577855-604636	0	0	0	1
XLOC_007840	MIR662	chr16:820182-820277	0	0	0	1
XLOC_007846	TPSAB1	chr16:1290677-1292555	0	0	0	1
XLOC_007847	TPSD1	chr16:1306272-1308494	0	0	0	1
XLOC_007856	MIR3177	chr16:1756220-1820318	0	0	0	1
XLOC_007863	RNF151	chr16:2016874-2018976	0	0	0	1
XLOC_007870	MIR4516	chr16:2097989-2185899	0	0	0	1
XLOC_007876	MIR3677	chr16:2320713-2320773	0	0	0	1
XLOC_007877	MIR940	chr16:2321747-2321841	0	0	0	1
XLOC_007878	MIR4717	chr16:2324620-2324692	0	0	0	1

XLOC_007882	NTN3	chr16:2521499-2524146	0	0	0	1
XLOC_007891	PRSS41	chr16:2848485-2855133	0	0	0	1
XLOC_007892	PRSS21	chr16:2867163-2871723	0	0	0	1
XLOC_007893	ZG16B	chr16:2880172-2882285	0	0	0	1
XLOC_007907	OR1F1	chr16:3254246-3255185	0	0	0	1
XLOC_007908	OR1F2P	chr16:3265561-3266546	0	0	0	1
XLOC_007912	OR2C1	chr16:3405888-3406924	0	0	0	1
XLOC_007921	C16orf96	chr16:4606490-4650318	0	0	0	1
XLOC_007927	SEC14L5	chr16:5008317-5069156	0	0	0	1
XLOC_007930	RBFOX1	chr16:6069131-7763340	0	0	0	1
XLOC_007935	MIR548X	chr16:9328773-9328803	0	0	0	1
XLOC_007938	CIITA	chr16:10971054-11018840	0	0	0	1
XLOC_007942	TNFRSF17	chr16:12058963-12061925	0	0	0	1
XLOC_007944	MIR4718	chr16:12753655-12897744	0	0	0	1
XLOC_007948	MIR193B	chr16:14397823-14397906	0	0	0	1
XLOC_007949	MIR365A	chr16:14403141-14403228	0	0	0	1
XLOC_007952	MIR3179-3	chr16:14995364-14995448	0	0	0	1
XLOC_007953	MIR3180-3	chr16:15005076-15005170	0	0	0	1
XLOC_007961	MIR3179-1	chr16:16394015-16394099	0	0	0	1
XLOC_007962	MIR3180-1	chr16:16403731-16403825	0	0	0	1
XLOC_007964	ABCC6P1	chr16:18582569-18609607	0	0	0	1
XLOC_007969	CLEC19A	chr16:19297104-19322269	0	0	0	1
XLOC_007975	ACSM2A	chr16:20462858-20498991	0	0	0	1
XLOC_007993	MIR548D2	chr16:22729602-22803363	0	0	0	1
XLOC_007995	SCNN1G	chr16:23194039-23228200	0	0	0	1
XLOC_007996	SCNN1B	chr16:23313590-23392620	0	0	0	1
XLOC_008000	CHP2	chr16:23765947-23770256	0	0	0	1
XLOC_008001	PRKCB	chr16:23847299-24231932	0	0	0	1
XLOC_008002	CACNG3	chr16:24266873-24373737	0	0	0	1
XLOC_008009	HS3ST4	chr16:25703346-26149009	0	0	0	1
XLOC_008010	C16orf82	chr16:27078218-27080487	0	0	0	1
XLOC_008023	CD19	chr16:28943259-28950668	0	0	0	1
XLOC_008025	MIR4517	chr16:28962317-28977767	0	0	0	1
XLOC_008030	LOC606724	chr16:29460665-29461236	0	0	0	1
XLOC_008034	ZG16	chr16:29789560-29792969	0	0	0	1
XLOC_008044	C16orf92	chr16:30034654-30042186	0	0	0	1
XLOC_008053	MIR4518	chr16:30483982-30534506	0	0	0	1
XLOC_008075	ITGAD	chr16:31404632-31437826	0	0	0	1
XLOC_008079	AHSP	chr16:31539202-31540124	0	0	0	1
XLOC_008083	TP53TG3D	chr16:32264649-32267243	0	0	0	1
XLOC_008084	TP53TG3,TP53TC	chr16:33205584-33208179	0	0	0	1
XLOC_008085	TP53TG3,TP53TC	chr16:33262119-33264719	0	0	0	1
XLOC_008086	LOC283914	chr16:34597786-34626084	0	0	0	1
XLOC_008091	MIR548AE2	chr16:48274602-48420559	0	0	0	1
XLOC_008094	C16orf78	chr16:49407807-49433319	0	0	0	1
XLOC_008107	MMP2	chr16:55513080-55540586	0	0	0	1
XLOC_008110	SLC6A2	chr16:55689541-55740104	0	0	0	1
XLOC_008111	CES1P2	chr16:55758836-55784123	0	0	0	1
XLOC_008112	CES1P1	chr16:55794510-55808826	0	0	0	1

XLOC_008114	MIR3935	chr16:56225250-56391356	0	0	0	1
XLOC_008116	MT4	chr16:56598960-56602869	0	0	0	1
XLOC_008117	MT3	chr16:56623266-56625000	0	0	0	1
XLOC_008131	MIR138-2	chr16:56892429-56892513	0	0	0	1
XLOC_008134	CETP	chr16:56995834-57017756	0	0	0	1
XLOC_008139	CCL22	chr16:57392694-57400102	0	0	0	1
XLOC_008140	CX3CL1	chr16:57406413-57418956	0	0	0	1
XLOC_008141	CCL17	chr16:57438678-57449974	0	0	0	1
XLOC_008149	TEPP	chr16:58010338-58022017	0	0	0	1
XLOC_008176	LRRC36	chr16:67360746-67419109	0	0	0	1
XLOC_008196	CDH1	chr16:68771194-68869444	0	0	0	1
XLOC_008206	MIR140	chr16:69796186-69975644	0	0	0	1
XLOC_008208	MIR1972-2	chr16:70010201-70099851	0	0	0	1
XLOC_008215	SNORD111B	chr16:70557690-70611571	0	0	0	1
XLOC_008216	SNORD111	chr16:70557690-70611571	0	0	0	1
XLOC_008220	CHST4	chr16:71560022-71572493	0	0	0	1
XLOC_008226	HPR	chr16:72097124-72111145	0	0	0	1
XLOC_008228	HTA	chr16:73126247-73127672	0	0	0	1
XLOC_008229	LOC100506172	chr16:73420703-73455295	0	0	0	1
XLOC_008233	CTRB1	chr16:75252883-75258822	0	0	0	1
XLOC_008236	CNTNAP4	chr16:76311175-76593135	0	0	0	1
XLOC_008237	MIR4719	chr16:76902832-76902916	0	0	0	1
XLOC_008240	VAT1L	chr16:77822482-78014001	0	0	0	1
XLOC_008241	CLEC3A	chr16:78056442-78066001	0	0	0	1
XLOC_008243	DYNLRB2	chr16:80574853-80584541	0	0	0	1
XLOC_008246	BCMO1	chr16:81272295-81324747	0	0	0	1
XLOC_008248	MIR4720	chr16:81418622-81418698	0	0	0	1
XLOC_008252	HSD17B2	chr16:82068857-82132139	0	0	0	1
XLOC_008254	MIR3182	chr16:82660398-83830215	0	0	0	1
XLOC_008260	ADAD2	chr16:84224722-84230772	0	0	0	1
XLOC_008261	WFDC1	chr16:84328400-84363450	0	0	0	1
XLOC_008267	LOC400548	chr16:85170755-85183049	0	0	0	1
XLOC_008271	IRF8	chr16:85932773-85956211	0	0	0	1
XLOC_008272	LOC146513	chr16:86320036-86326995	0	0	0	1
XLOC_008282	MIR5189	chr16:88520013-88601574	0	0	0	1
XLOC_008330	TPSG1	chr16:1203240-1275254	0	0	0	1
XLOC_008331	TPSB2	chr16:1278335-1280185	0	0	0	1
XLOC_008345	LINC00254	chr16:1928285-1934232	0	0	0	1
XLOC_008346	HS3ST6	chr16:1961464-1968231	0	0	0	1
XLOC_008348	RPL3L	chr16:1994579-2004679	0	0	0	1
XLOC_008356	MIR1225	chr16:2097989-2185899	0	0	0	1
XLOC_008357	MIR3180-5	chr16:2185977-2186130	0	0	0	1
XLOC_008358	SNORD60	chr16:2205023-2205106	0	0	0	1
XLOC_008366	MIR3178	chr16:2581922-2582006	0	0	0	1
XLOC_008371	PRSS33	chr16:2833953-2836708	0	0	0	1
XLOC_008386	C16orf90	chr16:3543483-3545421	0	0	0	1
XLOC_008406	C16orf89	chr16:5094122-5116146	0	0	0	1
XLOC_008408	TMEM114	chr16:8619501-8622226	0	0	0	1
XLOC_008412	GRIN2A	chr16:9847264-10276611	0	0	0	1

XLOC_008418	TNP2	chr16:11361713-11363160	0	0	0	1
XLOC_008419	PRM3	chr16:11367143-11367452	0	0	0	1
XLOC_008420	PRM2	chr16:11369492-11370337	0	0	0	1
XLOC_008421	PRM1	chr16:11374692-11375192	0	0	0	1
XLOC_008431	ABCC6P2	chr16:14916288-14918559	0	0	0	1
XLOC_008434	MIR3180-4	chr16:15248706-15248859	0	0	0	1
XLOC_008440	MIR3180-1	chr16:18496034-18496128	0	0	0	1
XLOC_008441	MIR3179-1	chr16:18505750-18505834	0	0	0	1
XLOC_008448	GPRC5B	chr16:19870292-19896151	0	0	0	1
XLOC_008449	GPR139	chr16:20043042-20085100	0	0	0	1
XLOC_008450	GP2	chr16:20321810-20338835	0	0	0	1
XLOC_008451	UMOD	chr16:20344372-20364037	0	0	0	1
XLOC_008452	PDILT	chr16:20370491-20416033	0	0	0	1
XLOC_008459	ZP2	chr16:21208772-21222868	0	0	0	1
XLOC_008465	IGSF6	chr16:21610855-21668792	0	0	0	1
XLOC_008470	MIR548AA2	chr16:22729602-22803363	0	0	0	1
XLOC_008488	IL27	chr16:28510682-28518155	0	0	0	1
XLOC_008495	BOLA2B	chr16:29464913-29478899	0	0	0	1
XLOC_008496	LOC388242	chr16:29464913-29478899	0	0	0	1
XLOC_008499	C16orf54	chr16:29753785-29757340	0	0	0	1
XLOC_008510	BOLA2B	chr16:30204255-30218248	0	0	0	1
XLOC_008528	MIR4519	chr16:30886586-30886644	0	0	0	1
XLOC_008539	COX6A2	chr16:31439051-31439749	0	0	0	1
XLOC_008542	CSDAP1	chr16:31579087-31580845	0	0	0	1
XLOC_008544	LOC390705	chr16:32300867-32301302	0	0	0	1
XLOC_008545	TP53TG3	chr16:32684848-32687448	0	0	0	1
XLOC_008547	LOC390705	chr16:33298267-33298702	0	0	0	1
XLOC_008548	RNU6-76	chr16:33463506-33563243	0	0	0	1
XLOC_008551	LOC146481	chr16:34711784-34714967	0	0	0	1
XLOC_008552	LOC100130700	chr16:34739458-34740840	0	0	0	1
XLOC_008561	ABCC12	chr16:48116883-48180681	0	0	0	1
XLOC_008565	CBLN1	chr16:49311828-49315742	0	0	0	1
XLOC_008566	ZNF423	chr16:49524514-49891830	0	0	0	1
XLOC_008568	SNX20	chr16:50700210-50715264	0	0	0	1
XLOC_008569	SALL1	chr16:51169885-51185183	0	0	0	1
XLOC_008570	C16orf97	chr16:52060263-52107847	0	0	0	1
XLOC_008571	LOC100505619	chr16:52116976-52119021	0	0	0	1
XLOC_008572	TOX3	chr16:52471917-52581714	0	0	0	1
XLOC_008573	LOC643714	chr16:52585998-52640887	0	0	0	1
XLOC_008574	LOC643802	chr16:53403273-53405041	0	0	0	1
XLOC_008577	IRX3	chr16:54317211-54320378	0	0	0	1
XLOC_008579	CES1	chr16:55836763-55867075	0	0	0	1
XLOC_008580	CES5A	chr16:55880065-55989943	0	0	0	1
XLOC_008581	LOC283856	chr16:56126898-56225006	0	0	0	1
XLOC_008582	DKFZP434H168	chr16:56225250-56391356	0	0	0	1
XLOC_008603	LOC644649	chr16:59788044-59789095	0	0	0	1
XLOC_008604	CDH8	chr16:61685914-62070739	0	0	0	1
XLOC_008606	LOC283867	chr16:65318401-65610203	0	0	0	1
XLOC_008612	CDH16	chr16:66942024-66952887	0	0	0	1

XLOC_008619	MIR328	chr16:67233027-67237927	0	0	0	1
XLOC_008626	AGRP	chr16:67516473-67517716	0	0	0	1
XLOC_008635	DPEP3	chr16:68009565-68014452	0	0	0	1
XLOC_008645	MIR1538	chr16:69599710-69599771	0	0	0	1
XLOC_008661	TAT	chr16:71600753-71610998	0	0	0	1
XLOC_008663	SNORA70D	chr16:71678851-71748704	0	0	0	1
XLOC_008665	SNORD71	chr16:71762904-71842976	0	0	0	1
XLOC_008679	CTRB2	chr16:75237993-75241072	0	0	0	1
XLOC_008688	ADAMTS18	chr16:77316024-77469011	0	0	0	1
XLOC_008695	SDR42E1	chr16:82031250-82045093	0	0	0	1
XLOC_008701	KCNG4	chr16:84254740-84273356	0	0	0	1
XLOC_008705	FAM92B	chr16:85131964-85146114	0	0	0	1
XLOC_008706	MIR5093	chr16:85339831-85339931	0	0	0	1
XLOC_008709	MIR1910	chr16:85741123-85784689	0	0	0	1
XLOC_008711	LOC732275	chr16:86365455-86379285	0	0	0	1
XLOC_008719	CA5A	chr16:87921624-87970112	0	0	0	1
XLOC_008725	MIR4722	chr16:88772890-88851372	0	0	0	1
XLOC_008747	BHLHA9	chr17:1173857-1174565	0	0	0	1
XLOC_008760	OR1A2	chr17:3100812-3101742	0	0	0	1
XLOC_008761	OR1A1	chr17:3118914-3119844	0	0	0	1
XLOC_008762	OR1D4	chr17:3143969-3144559	0	0	0	1
XLOC_008763	OR3A4P	chr17:3213538-3214740	0	0	0	1
XLOC_008764	OR3A3	chr17:3323861-3324827	0	0	0	1
XLOC_008765	ASPA	chr17:3377403-3402700	0	0	0	1
XLOC_008776	TM4SF5	chr17:4675186-4686506	0	0	0	1
XLOC_008788	LOC100130950	chr17:5095378-5138931	0	0	0	1
XLOC_008793	WSCD1	chr17:5973933-6027747	0	0	0	1
XLOC_008797	MIR4520B	chr17:6558758-6558828	0	0	0	1
XLOC_008800	FBXO39	chr17:6679551-6690965	0	0	0	1
XLOC_008801	ALOX12P2	chr17:6756894-6803668	0	0	0	1
XLOC_008812	TMEM95	chr17:7258496-7260538	0	0	0	1
XLOC_008829	ATP1B2	chr17:7554253-7561089	0	0	0	1
XLOC_008833	RPL29P2	chr17:7623038-7737058	0	0	0	1
XLOC_008838	SCARNA21	chr17:7788122-7816075	0	0	0	1
XLOC_008840	GUCY2D	chr17:7905987-7923658	0	0	0	1
XLOC_008842	MIR4314	chr17:7991373-7991465	0	0	0	1
XLOC_008843	MIR4521	chr17:8090262-8090322	0	0	0	1
XLOC_008844	MIR3676	chr17:8090492-8090577	0	0	0	1
XLOC_008847	ARHGEF15	chr17:8213555-8225834	0	0	0	1
XLOC_008848	ODF4	chr17:8243187-8249363	0	0	0	1
XLOC_008853	GLP2R	chr17:9729380-9793022	0	0	0	1
XLOC_008855	TMEM220-AS1	chr17:10616638-10718481	0	0	0	1
XLOC_008856	SHISA6	chr17:11144739-11467380	0	0	0	1
XLOC_008857	DNAH9	chr17:11501747-11873065	0	0	0	1
XLOC_008859	MIR744	chr17:11924134-12047051	0	0	0	1
XLOC_008860	LINC00670	chr17:12453284-12540504	0	0	0	1
XLOC_008861	MYOCD	chr17:12569206-12670651	0	0	0	1
XLOC_008867	CDRT7	chr17:14934291-14935274	0	0	0	1
XLOC_008870	CDRT15P2	chr17:15668016-15669003	0	0	0	1

XLOC_008871	MEIS3P1	chr17:15690163-15693019	0	0	0	1
XLOC_008875	MIR1288	chr17:16120508-16229573	0	0	0	1
XLOC_008879	SNORD49A	chr17:16342300-16395505	0	0	0	1
XLOC_008880	SNORD65	chr17:16342300-16395505	0	0	0	1
XLOC_008883	FAM106CP	chr17:16690205-16707819	0	0	0	1
XLOC_008886	SMCR9	chr17:17322657-17326728	0	0	0	1
XLOC_008897	EVPLL	chr17:18281078-18292960	0	0	0	1
XLOC_008898	LOC339240	chr17:18325494-18328647	0	0	0	1
XLOC_008899	KRT16P1	chr17:18343221-18346208	0	0	0	1
XLOC_008900	LGALS9C	chr17:18380098-18398259	0	0	0	1
XLOC_008911	SLC47A1	chr17:19437166-19482346	0	0	0	1
XLOC_008912	SNORA59B	chr17:19437166-19482346	0	0	0	1
XLOC_008916	CDRT15L2	chr17:20483036-20484224	0	0	0	1
XLOC_008921	FAM27L	chr17:21825369-21826499	0	0	0	1
XLOC_008922	FLJ36000	chr17:21904061-21913070	0	0	0	1
XLOC_008925	TBC1D3P5	chr17:25745030-25758649	0	0	0	1
XLOC_008930	PPY2	chr17:26574469-26575315	0	0	0	1
XLOC_008934	MIR4723	chr17:26684686-26689089	0	0	0	1
XLOC_008936	SLC13A2	chr17:26800663-26824798	0	0	0	1
XLOC_008937	FOXN1	chr17:26850958-26865175	0	0	0	1
XLOC_008941	SNORD42B	chr17:27046999-27053949	0	0	0	1
XLOC_008943	SNORD42A	chr17:27046999-27053949	0	0	0	1
XLOC_008948	MIR451B	chr17:27188386-27188458	0	0	0	1
XLOC_008957	MIR423	chr17:28443824-28513493	0	0	0	1
XLOC_008960	TBC1D29	chr17:28886583-28890509	0	0	0	1
XLOC_008967	DPRXP4	chr17:29297955-29326929	0	0	0	1
XLOC_008970	MIR193A	chr17:29887014-29887102	0	0	0	1
XLOC_008971	MIR4725	chr17:29902287-29902377	0	0	0	1
XLOC_008972	MIR365B	chr17:29902429-29902540	0	0	0	1
XLOC_008982	SPACA3	chr17:31318881-31324892	0	0	0	1
XLOC_008983	CCL2	chr17:32582295-32584220	0	0	0	1
XLOC_008984	CCL7	chr17:32597234-32599261	0	0	0	1
XLOC_008985	CCL11	chr17:32612686-32615199	0	0	0	1
XLOC_008986	CCL8	chr17:32646065-32648421	0	0	0	1
XLOC_008987	CCL13	chr17:32683470-32685629	0	0	0	1
XLOC_008988	TMEM132E	chr17:32907767-32966337	0	0	0	1
XLOC_008994	SNORD7	chr17:33900675-33900772	0	0	0	1
XLOC_008997	C17orf50	chr17:34087915-34092098	0	0	0	1
XLOC_008999	CCL18	chr17:34391642-34398841	0	0	0	1
XLOC_009000	CCL4	chr17:34431219-34433014	0	0	0	1
XLOC_009001	CCL4L1	chr17:34538467-34540274	0	0	0	1
XLOC_009002	CCL4L2	chr17:34640033-34641840	0	0	0	1
XLOC_009010	MIR2909	chr17:35306174-35414171	0	0	0	1
XLOC_009019	MIR4726	chr17:36861872-36886056	0	0	0	1
XLOC_009022	MIR4727	chr17:36982090-36982145	0	0	0	1
XLOC_009029	PPP1R1B	chr17:37783176-37792878	0	0	0	1
XLOC_009032	PNMT	chr17:37824233-37826728	0	0	0	1
XLOC_009034	MIR4728	chr17:37844392-37884915	0	0	0	1
XLOC_009036	ZPBP2	chr17:38024454-38034149	0	0	0	1

XLOC_009037	LRR3C	chr17:38097726-38100987	0	0	0	1
XLOC_009040	CSF3	chr17:38171613-38174066	0	0	0	1
XLOC_009041	SNORD124	chr17:38175349-38210889	0	0	0	1
XLOC_009049	IGFBP4	chr17:38599675-38613982	0	0	0	1
XLOC_009053	KRTAP9-1	chr17:39346138-39346891	0	0	0	1
XLOC_009054	KRTAP9-2	chr17:39382899-39383904	0	0	0	1
XLOC_009055	KRTAP9-3	chr17:39388714-39389706	0	0	0	1
XLOC_009056	KRTAP9-8	chr17:39394269-39395256	0	0	0	1
XLOC_009057	KRTAP9-4	chr17:39405938-39406905	0	0	0	1
XLOC_009058	KRTAP9-9	chr17:39411635-39412616	0	0	0	1
XLOC_009059	LOC100505782	chr17:39558667-39568840	0	0	0	1
XLOC_009061	GAST	chr17:39868577-39872221	0	0	0	1
XLOC_009077	RAMP2	chr17:40905946-40915060	0	0	0	1
XLOC_009085	G6PC	chr17:41052813-41066450	0	0	0	1
XLOC_009094	MIR2117	chr17:41522173-41522253	0	0	0	1
XLOC_009096	C17orf105	chr17:41857802-41862054	0	0	0	1
XLOC_009120	SPPL2C	chr17:43920721-44105699	0	0	0	1
XLOC_009122	MAPT-IT1	chr17:43920721-44105699	0	0	0	1
XLOC_009123	STH	chr17:43920721-44105699	0	0	0	1
XLOC_009126	NSFP1	chr17:44450178-44500463	0	0	0	1
XLOC_009129	WNT9B	chr17:44928967-44954437	0	0	0	1
XLOC_009131	MIR5089	chr17:45050382-45050466	0	0	0	1
XLOC_009133	ITGB3	chr17:45331207-45390077	0	0	0	1
XLOC_009138	TBX21	chr17:45810609-45823485	0	0	0	1
XLOC_009151	B4GALNT2	chr17:47209821-47247351	0	0	0	1
XLOC_009153	FLJ40194	chr17:47325604-47336027	0	0	0	1
XLOC_009154	NGFR	chr17:47572654-47592382	0	0	0	1
XLOC_009161	SGCA	chr17:48243365-48253293	0	0	0	1
XLOC_009171	ABCC3	chr17:48712217-48769063	0	0	0	1
XLOC_009173	WFIKKN2	chr17:48912604-48919709	0	0	0	1
XLOC_009177	C17orf112	chr17:51062879-51065012	0	0	0	1
XLOC_009178	KIF2B	chr17:51900238-51902573	0	0	0	1
XLOC_009184	NOG	chr17:54671059-54672951	0	0	0	1
XLOC_009187	RNF126P1	chr17:55122838-55124156	0	0	0	1
XLOC_009191	OR4D1	chr17:56232514-56233447	0	0	0	1
XLOC_009192	MSX2P1	chr17:56234319-56236480	0	0	0	1
XLOC_009193	OR4D2	chr17:56247016-56247940	0	0	0	1
XLOC_009203	MIR4729	chr17:57409052-57479095	0	0	0	1
XLOC_009207	MIR21	chr17:57918626-57918698	0	0	0	1
XLOC_009209	CA4	chr17:58227301-58236906	0	0	0	1
XLOC_009220	MIR548W	chr17:60778674-61505067	0	0	0	1
XLOC_009230	TCAM1P	chr17:61934375-61941739	0	0	0	1
XLOC_009238	MIR634	chr17:64298925-64806862	0	0	0	1
XLOC_009239	CACNG5	chr17:64873390-64881395	0	0	0	1
XLOC_009240	CACNG4	chr17:64960979-65029518	0	0	0	1
XLOC_009241	CACNG1	chr17:65040651-65052911	0	0	0	1
XLOC_009252	MIR4524B	chr17:67074846-67138015	0	0	0	1
XLOC_009253	MAP2K6	chr17:67410837-67538470	0	0	0	1
XLOC_009254	KCNJ16	chr17:68071365-68131746	0	0	0	1

XLOC_009255	KCNJ2	chr17:68165675-68176183	0	0	0	1
XLOC_009260	LOC400620	chr17:71745408-71824676	0	0	0	1
XLOC_009263	DNAI2	chr17:72270385-72311023	0	0	0	1
XLOC_009264	KIF19	chr17:72322350-72351959	0	0	0	1
XLOC_009265	GPR142	chr17:72363644-72368739	0	0	0	1
XLOC_009268	C17orf77	chr17:72576110-72590348	0	0	0	1
XLOC_009273	OTOP3	chr17:72931896-72946087	0	0	0	1
XLOC_009282	MIR3678	chr17:73402149-73402243	0	0	0	1
XLOC_009295	RNF157-AS1	chr17:74132414-74236390	0	0	0	1
XLOC_009301	SNORD1C	chr17:74553845-74561430	0	0	0	1
XLOC_009302	SNORD1B	chr17:74553845-74561430	0	0	0	1
XLOC_009303	SNORD1A	chr17:74553845-74561430	0	0	0	1
XLOC_009310	LOC100507351	chr17:75543022-75561103	0	0	0	1
XLOC_009313	C17orf99	chr17:76142433-76162364	0	0	0	1
XLOC_009317	TMEM235	chr17:76227390-76237068	0	0	0	1
XLOC_009321	ENPP7	chr17:77704881-77716021	0	0	0	1
XLOC_009329	MIR4730	chr17:78234659-78411884	0	0	0	1
XLOC_009333	MIR3065	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_009334	AATK-AS1	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_009343	GCGR	chr17:79762009-79771889	0	0	0	1
XLOC_009353	UTS2R	chr17:80332200-80333370	0	0	0	1
XLOC_009370	MIR3183	chr17:906757-1090616	0	0	0	1
XLOC_009383	RTN4RL1	chr17:1837970-1928178	0	0	0	1
XLOC_009384	MIR132	chr17:1953201-1953302	0	0	0	1
XLOC_009385	MIR212	chr17:1953564-1953674	0	0	0	1
XLOC_009388	SNORD91B	chr17:2207247-2240678	0	0	0	1
XLOC_009389	SNORD91A	chr17:2207247-2240678	0	0	0	1
XLOC_009394	MIR1253	chr17:2651371-2651476	0	0	0	1
XLOC_009395	OR1D5	chr17:2965962-2966901	0	0	0	1
XLOC_009396	OR1D2	chr17:2995351-2996290	0	0	0	1
XLOC_009397	OR1G1	chr17:3029903-3030845	0	0	0	1
XLOC_009398	OR3A2	chr17:3181183-3182268	0	0	0	1
XLOC_009399	OR3A1	chr17:3194928-3195876	0	0	0	1
XLOC_009400	OR1E1	chr17:3300759-3301704	0	0	0	1
XLOC_009401	OR1E2	chr17:3336163-3337135	0	0	0	1
XLOC_009403	TRPV3	chr17:3413795-3461289	0	0	0	1
XLOC_009426	SLC52A1	chr17:4935896-4938727	0	0	0	1
XLOC_009428	ZNF594	chr17:5082830-5095178	0	0	0	1
XLOC_009429	SCIMP	chr17:5095378-5138931	0	0	0	1
XLOC_009440	MIR4520A	chr17:6558758-6558828	0	0	0	1
XLOC_009442	TEKT1	chr17:6703299-6735060	0	0	0	1
XLOC_009445	MIR195	chr17:6915735-6922973	0	0	0	1
XLOC_009446	MIR497	chr17:6915735-6922973	0	0	0	1
XLOC_009448	CLEC10A	chr17:6977855-6983600	0	0	0	1
XLOC_009449	ASGR2	chr17:7004640-7018130	0	0	0	1
XLOC_009452	MIR324	chr17:7093209-7128586	0	0	0	1
XLOC_009487	CCDC42	chr17:8633245-8648154	0	0	0	1
XLOC_009488	SPDYE4	chr17:8656423-8661877	0	0	0	1
XLOC_009489	MFSD6L	chr17:8700427-8702667	0	0	0	1

XLOC_009490	PIK3R6	chr17:8706054-8770994	0	0	0	1
XLOC_009493	DHRS7C	chr17:9674750-9694614	0	0	0	1
XLOC_009494	RCVRN	chr17:9801026-9808684	0	0	0	1
XLOC_009496	MYH13	chr17:10204182-10276322	0	0	0	1
XLOC_009497	MYH8	chr17:10293641-10325267	0	0	0	1
XLOC_009498	MYH4	chr17:10346607-10372876	0	0	0	1
XLOC_009499	MYH1	chr17:10395626-10421859	0	0	0	1
XLOC_009500	MYH2	chr17:10424464-10453017	0	0	0	1
XLOC_009505	LINC00675	chr17:10616638-10718481	0	0	0	1
XLOC_009506	PIRT	chr17:10725791-10741418	0	0	0	1
XLOC_009509	HS3ST3A1	chr17:13399005-13505244	0	0	0	1
XLOC_009511	CDRT15	chr17:14139172-14140150	0	0	0	1
XLOC_009513	MIR4731	chr17:15133095-15168644	0	0	0	1
XLOC_009522	ZNF287	chr17:16453630-16472520	0	0	0	1
XLOC_009525	TNFRSF13B	chr17:16842397-16875402	0	0	0	1
XLOC_009533	MIR33B	chr17:17584786-17740325	0	0	0	1
XLOC_009548	MIR1180	chr17:19240866-19290532	0	0	0	1
XLOC_009551	ALDH3A1	chr17:19641297-19651746	0	0	0	1
XLOC_009554	LGALS9B	chr17:20353175-20370848	0	0	0	1
XLOC_009555	KRT16P3	chr17:20404826-20407811	0	0	0	1
XLOC_009556	CCDC144NL	chr17:20766707-20799453	0	0	0	1
XLOC_009561	MIR4522	chr17:25620935-25621022	0	0	0	1
XLOC_009567	SEBOX	chr17:26691289-26692265	0	0	0	1
XLOC_009581	MIR451A	chr17:27188386-27188458	0	0	0	1
XLOC_009582	MIR144	chr17:27188550-27188636	0	0	0	1
XLOC_009583	MIR4732	chr17:27188672-27188748	0	0	0	1
XLOC_009594	MIR3184	chr17:28443824-28513493	0	0	0	1
XLOC_009597	TMIGD1	chr17:28643365-28661065	0	0	0	1
XLOC_009600	MIR4733	chr17:29421367-29421443	0	0	0	1
XLOC_009609	ASIC2	chr17:31340105-32483825	0	0	0	1
XLOC_009610	AA06	chr17:31340105-32483825	0	0	0	1
XLOC_009611	CCL1	chr17:32687398-32690252	0	0	0	1
XLOC_009612	C17orf102	chr17:32901141-32906388	0	0	0	1
XLOC_009617	SLFN11	chr17:33677328-33700720	0	0	0	1
XLOC_009618	SLFN12	chr17:33738080-33759543	0	0	0	1
XLOC_009620	SLFN12L	chr17:33801941-33814758	0	0	0	1
XLOC_009624	MMP28	chr17:34092875-34122640	0	0	0	1
XLOC_009625	C17orf66	chr17:34181959-34195895	0	0	0	1
XLOC_009628	LYZL6	chr17:34261522-34270703	0	0	0	1
XLOC_009629	CCL16	chr17:34303534-34308523	0	0	0	1
XLOC_009630	CCL14,CCL15	chr17:34310691-34329084	0	0	0	1
XLOC_009631	CCL23	chr17:34340096-34345005	0	0	0	1
XLOC_009633	TBC1D3B	chr17:34493060-34503988	0	0	0	1
XLOC_009636	CCL3L1	chr17:34623841-34625730	0	0	0	1
XLOC_009638	TBC1D3G	chr17:34797174-34808103	0	0	0	1
XLOC_009644	LOC284100	chr17:36202572-36244363	0	0	0	1
XLOC_009645	TBC1D3	chr17:36337527-36348666	0	0	0	1
XLOC_009650	MIR4734	chr17:36858514-36858584	0	0	0	1
XLOC_009657	FBXO47	chr17:37092684-37123655	0	0	0	1

XLOC_009659	ARL5C	chr17:37313146-37322414	0	0	0	1
XLOC_009678	KRT24	chr17:38854242-38860002	0	0	0	1
XLOC_009679	KRT25	chr17:38904272-38911584	0	0	0	1
XLOC_009680	KRT26	chr17:38922489-38928411	0	0	0	1
XLOC_009681	KRT27	chr17:38933059-38938786	0	0	0	1
XLOC_009682	KRT28	chr17:38948447-38956211	0	0	0	1
XLOC_009684	KRT12	chr17:39017429-39023462	0	0	0	1
XLOC_009685	KRT20	chr17:39032140-39041495	0	0	0	1
XLOC_009686	KRT23	chr17:39078951-39093836	0	0	0	1
XLOC_009687	KRT39	chr17:39114668-39123144	0	0	0	1
XLOC_009688	KRT40	chr17:39133967-39143387	0	0	0	1
XLOC_009691	KRTAP3-1	chr17:39164773-39165366	0	0	0	1
XLOC_009692	KRTAP1-5	chr17:39182278-39183454	0	0	0	1
XLOC_009693	KRTAP1-4	chr17:39185928-39186377	0	0	0	1
XLOC_009694	KRTAP1-3	chr17:39190136-39191107	0	0	0	1
XLOC_009695	KRTAP1-1	chr17:39196810-39197713	0	0	0	1
XLOC_009699	KRTAP2-4	chr17:39221367-39222131	0	0	0	1
XLOC_009704	KRTAP4-5	chr17:39305175-39306054	0	0	0	1
XLOC_009705	KRTAP4-4	chr17:39315905-39316983	0	0	0	1
XLOC_009706	KRTAP4-3	chr17:39323482-39324424	0	0	0	1
XLOC_009707	KRTAP4-2	chr17:39333697-39334460	0	0	0	1
XLOC_009708	KRTAP4-1	chr17:39340351-39341147	0	0	0	1
XLOC_009709	KRTAP29-1	chr17:39458077-39459103	0	0	0	1
XLOC_009710	KRTAP16-1	chr17:39463951-39465505	0	0	0	1
XLOC_009711	KRTAP17-1	chr17:39471168-39471947	0	0	0	1
XLOC_009712	KRT33A	chr17:39502344-39507064	0	0	0	1
XLOC_009713	KRT33B	chr17:39519745-39526052	0	0	0	1
XLOC_009715	KRT31	chr17:39549976-39553844	0	0	0	1
XLOC_009716	KRT37	chr17:39576808-39580822	0	0	0	1
XLOC_009717	KRT38	chr17:39592620-39597596	0	0	0	1
XLOC_009718	KRT32	chr17:39615764-39623638	0	0	0	1
XLOC_009719	KRT35	chr17:39632940-39637392	0	0	0	1
XLOC_009720	KRT36	chr17:39642387-39646116	0	0	0	1
XLOC_009721	KRT13	chr17:39657232-39661865	0	0	0	1
XLOC_009724	LOC147093	chr17:39705857-39710747	0	0	0	1
XLOC_009725	KRT9	chr17:39722093-39728310	0	0	0	1
XLOC_009726	KRT14	chr17:39738530-39743147	0	0	0	1
XLOC_009730	HAP1	chr17:39878890-39890898	0	0	0	1
XLOC_009741	KCNH4	chr17:40308909-40333296	0	0	0	1
XLOC_009742	HCRT	chr17:40336077-40337470	0	0	0	1
XLOC_009755	LINC00671	chr17:41026690-41050751	0	0	0	1
XLOC_009762	MEOX1	chr17:41717757-41739262	0	0	0	1
XLOC_009767	PPY	chr17:42018171-42019833	0	0	0	1
XLOC_009785	C1QL1	chr17:43037060-43045644	0	0	0	1
XLOC_009794	LOC644172	chr17:43677490-43679748	0	0	0	1
XLOC_009795	MAPT-AS1	chr17:43920721-44105699	0	0	0	1
XLOC_009809	MIR152	chr17:46103532-46115152	0	0	0	1
XLOC_009811	SKAP1	chr17:46210801-46507594	0	0	0	1
XLOC_009812	MIR1203	chr17:46210801-46507594	0	0	0	1

XLOC_009813	HOXB1	chr17:46606806-46608272	0	0	0	1
XLOC_009823	MIR196A1	chr17:46709851-46709921	0	0	0	1
XLOC_009824	PRAC	chr17:46799081-46799882	0	0	0	1
XLOC_009825	MIR3185	chr17:46800541-46802119	0	0	0	1
XLOC_009829	GIP	chr17:47035917-47045955	0	0	0	1
XLOC_009830	GNGT2	chr17:47283595-47300587	0	0	0	1
XLOC_009831	PHOSPHO1	chr17:47300731-47308128	0	0	0	1
XLOC_009842	HILS1	chr17:48243365-48253293	0	0	0	1
XLOC_009853	CA10	chr17:49707673-50237377	0	0	0	1
XLOC_009856	TMEM100	chr17:53796987-53809482	0	0	0	1
XLOC_009867	BZRAP1	chr17:56378587-56494931	0	0	0	1
XLOC_009868	MIR142	chr17:56378587-56494931	0	0	0	1
XLOC_009869	MIR4736	chr17:56378587-56494931	0	0	0	1
XLOC_009879	MIR454	chr17:57187307-57232800	0	0	0	1
XLOC_009880	MIR301A	chr17:57187307-57232800	0	0	0	1
XLOC_009892	NACA2	chr17:59667793-59668563	0	0	0	1
XLOC_009897	MARCH10	chr17:60778674-61505067	0	0	0	1
XLOC_009904	CSH2	chr17:61949371-61951089	0	0	0	1
XLOC_009905	GH2	chr17:61957571-61959302	0	0	0	1
XLOC_009906	CSH1	chr17:61972267-61974021	0	0	0	1
XLOC_009907	CSHL1	chr17:61986964-61988618	0	0	0	1
XLOC_009908	GH1	chr17:61994562-61996198	0	0	0	1
XLOC_009914	PECAM1	chr17:62396776-62407083	0	0	0	1
XLOC_009927	APOH	chr17:64208146-64225556	0	0	0	1
XLOC_009933	MIR635	chr17:66417421-66453653	0	0	0	1
XLOC_009935	ABCA8	chr17:66863430-66951533	0	0	0	1
XLOC_009937	ABCA6	chr17:67074846-67138015	0	0	0	1
XLOC_009938	MIR4524A	chr17:67074846-67138015	0	0	0	1
XLOC_009940	KCNJ2-AS1	chr17:68163101-68165543	0	0	0	1
XLOC_009945	CPSF4L	chr17:71228775-71258019	0	0	0	1
XLOC_009948	LINC00469	chr17:71745408-71824676	0	0	0	1
XLOC_009951	CD300LB	chr17:72517312-72527613	0	0	0	1
XLOC_009953	CD300LD	chr17:72576110-72590348	0	0	0	1
XLOC_009954	CD300E	chr17:72606021-72619897	0	0	0	1
XLOC_009955	CD300LF	chr17:72667255-72743474	0	0	0	1
XLOC_009959	FADS6	chr17:72873472-72889705	0	0	0	1
XLOC_009974	MIR4738	chr17:73780601-73780688	0	0	0	1
XLOC_009993	ST6GALNAC1	chr17:74620844-74639894	0	0	0	1
XLOC_009997	MIR4316	chr17:75277491-75496678	0	0	0	1
XLOC_009998	FLJ45079	chr17:75875082-75880169	0	0	0	1
XLOC_010011	LOC100507410	chr17:77015290-77045870	0	0	0	1
XLOC_010013	MIR4739	chr17:77680984-77681058	0	0	0	1
XLOC_010023	MIR657	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_010024	MIR338	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_010025	MIR1250	chr17:79008946-79156964	0	0	0	1
XLOC_010030	TMEM105	chr17:79285071-79304474	0	0	0	1
XLOC_010032	MIR4740	chr17:79373539-79433358	0	0	0	1
XLOC_010033	MIR3186	chr17:79373539-79433358	0	0	0	1
XLOC_010090	CETN1	chr18:580368-581524	0	0	0	1

XLOC_010093	ADCYAP1	chr18:904943-912173	0	0	0	1
XLOC_010101	DLGAP1-AS3	chr18:3496029-4455266	0	0	0	1
XLOC_010102	DLGAP1-AS5	chr18:3496029-4455266	0	0	0	1
XLOC_010104	LOC645355	chr18:5748817-5795900	0	0	0	1
XLOC_010105	MIR3976	chr18:5840693-5840832	0	0	0	1
XLOC_010106	LOC100130480	chr18:6511414-6590652	0	0	0	1
XLOC_010107	ARHGAP28	chr18:6834431-6915712	0	0	0	1
XLOC_010108	LRRRC30	chr18:7231136-7232042	0	0	0	1
XLOC_010116	RAB31	chr18:9708227-9862553	0	0	0	1
XLOC_010117	TXNDC2	chr18:9885722-9888156	0	0	0	1
XLOC_010119	APCDD1	chr18:10454624-10488698	0	0	0	1
XLOC_010124	C18orf61	chr18:12200777-12224709	0	0	0	1
XLOC_010125	CIDEA	chr18:12254317-12277594	0	0	0	1
XLOC_010132	MIR5190	chr18:13218728-13652753	0	0	0	1
XLOC_010133	MIR4526	chr18:13218728-13652753	0	0	0	1
XLOC_010135	MC5R	chr18:13825542-13826861	0	0	0	1
XLOC_010138	ANKRD30B	chr18:14748238-14852737	0	0	0	1
XLOC_010139	MIR3156-2	chr18:14748238-14852737	0	0	0	1
XLOC_010142	MIR320C1	chr18:19230857-19284766	0	0	0	1
XLOC_010149	LAMA3	chr18:21269561-21535029	0	0	0	1
XLOC_010152	MIR320C2	chr18:21742010-21977833	0	0	0	1
XLOC_010155	LOC729950	chr18:22208145-22242162	0	0	0	1
XLOC_010156	PSMA8	chr18:23713815-23773319	0	0	0	1
XLOC_010159	MIR302F	chr18:27878875-27878926	0	0	0	1
XLOC_010160	DSG1	chr18:28898051-28937393	0	0	0	1
XLOC_010161	DSG4	chr18:28956739-28993880	0	0	0	1
XLOC_010164	TTR	chr18:29171729-29178986	0	0	0	1
XLOC_010168	WBP11P1	chr18:30091625-30094597	0	0	0	1
XLOC_010169	ASXL3	chr18:31158540-31327399	0	0	0	1
XLOC_010170	DTNA	chr18:32073253-32471808	0	0	0	1
XLOC_010174	MIR3975	chr18:33171700-33171770	0	0	0	1
XLOC_010181	MIR4318	chr18:35237097-35237178	0	0	0	1
XLOC_010182	MIR5583-1	chr18:36786887-37331959	0	0	0	1
XLOC_010194	MIR4743	chr18:46065426-46389586	0	0	0	1
XLOC_010195	MIR1539	chr18:47007547-47018935	0	0	0	1
XLOC_010199	MAPK4	chr18:48086483-48258196	0	0	0	1
XLOC_010203	LOC100287225	chr18:48918411-49088839	0	0	0	1
XLOC_010204	DCC	chr18:49866541-51062273	0	0	0	1
XLOC_010207	DYNAP	chr18:52258389-52266724	0	0	0	1
XLOC_010208	RAB27B	chr18:52495707-52562747	0	0	0	1
XLOC_010209	MIR4529	chr18:52889561-53303188	0	0	0	1
XLOC_010211	BOD1L2	chr18:54814292-54817639	0	0	0	1
XLOC_010216	MIR122	chr18:56118305-56118390	0	0	0	1
XLOC_010218	ZNF532	chr18:56530060-56653709	0	0	0	1
XLOC_010219	OACYLP	chr18:56702970-56720446	0	0	0	1
XLOC_010221	GRP	chr18:56887399-56898002	0	0	0	1
XLOC_010228	SERPINB5	chr18:61144143-61172318	0	0	0	1
XLOC_010229	SERPINB12	chr18:61223392-61234244	0	0	0	1
XLOC_010230	SERPINB13	chr18:61254533-61266433	0	0	0	1

XLOC_010231	SERPINB11	chr18:61370193-61391122	0	0	0	1
XLOC_010234	SERPINB10	chr18:61582744-61602476	0	0	0	1
XLOC_010237	LOC284294	chr18:61747242-62090827	0	0	0	1
XLOC_010238	CDH7	chr18:63417487-63548175	0	0	0	1
XLOC_010239	MIR5011	chr18:64748820-64748923	0	0	0	1
XLOC_010240	LOC643542	chr18:65173818-65566856	0	0	0	1
XLOC_010242	DOK6	chr18:67068283-67516322	0	0	0	1
XLOC_010251	LOC339298	chr18:73834952-73857210	0	0	0	1
XLOC_010255	GALR1	chr18:74962007-74982096	0	0	0	1
XLOC_010256	SALL3	chr18:76740274-76758969	0	0	0	1
XLOC_010260	KCNG2	chr18:77623667-77659816	0	0	0	1
XLOC_010266	COLEC12	chr18:319354-500729	0	0	0	1
XLOC_010280	EPB41L3	chr18:5392387-5543986	0	0	0	1
XLOC_010281	TMEM200C	chr18:5890183-5892103	0	0	0	1
XLOC_010282	L3MBTL4	chr18:5954704-6414910	0	0	0	1
XLOC_010283	MIR4317	chr18:5954704-6414910	0	0	0	1
XLOC_010284	LINC00668	chr18:6925472-6929868	0	0	0	1
XLOC_010286	LOC100192426	chr18:7567313-8406859	0	0	0	1
XLOC_010288	PIEZO2	chr18:10670243-11148761	0	0	0	1
XLOC_010294	LOC100288122	chr18:13218728-13652753	0	0	0	1
XLOC_010298	CXADRP3	chr18:14477953-14498705	0	0	0	1
XLOC_010299	POTEC	chr18:14511736-14543599	0	0	0	1
XLOC_010300	LOC644669	chr18:15313554-15325918	0	0	0	1
XLOC_010304	MIR133A1	chr18:19321544-19450912	0	0	0	1
XLOC_010305	MIR1-2	chr18:19321544-19450912	0	0	0	1
XLOC_010306	CTAGE1	chr18:19993563-19997878	0	0	0	1
XLOC_010309	ANKRD29	chr18:21179977-21242849	0	0	0	1
XLOC_010314	LOC728606	chr18:24267584-24283602	0	0	0	1
XLOC_010315	AQP4	chr18:24432007-24765302	0	0	0	1
XLOC_010316	CHST9	chr18:24432007-24765302	0	0	0	1
XLOC_010317	CDH2	chr18:25530929-25757445	0	0	0	1
XLOC_010319	DSC2	chr18:28645941-28682388	0	0	0	1
XLOC_010320	DSC1	chr18:28709213-28742819	0	0	0	1
XLOC_010327	CCDC178	chr18:30517365-31020685	0	0	0	1
XLOC_010328	NOL4	chr18:31431063-31803515	0	0	0	1
XLOC_010331	ZNF396	chr18:32946660-32957301	0	0	0	1
XLOC_010333	MIR187	chr18:33484780-33484889	0	0	0	1
XLOC_010337	CELF4	chr18:34823007-35146000	0	0	0	1
XLOC_010339	MIR5583-2	chr18:36786887-37331959	0	0	0	1
XLOC_010340	KC6	chr18:39060235-39100561	0	0	0	1
XLOC_010341	RIT2	chr18:40323182-40695657	0	0	0	1
XLOC_010342	SYT4	chr18:40847856-40857615	0	0	0	1
XLOC_010343	MIR4319	chr18:42260137-42648475	0	0	0	1
XLOC_010347	LOXHD1	chr18:44056934-44236996	0	0	0	1
XLOC_010350	TCEB3CL2	chr18:44526786-44628614	0	0	0	1
XLOC_010351	TCEB3CL2	chr18:44526786-44628614	0	0	0	1
XLOC_010352	TCEB3C	chr18:44526786-44628614	0	0	0	1
XLOC_010353	TCEB3B	chr18:44526786-44628614	0	0	0	1
XLOC_010360	MIR4744	chr18:46570171-46987079	0	0	0	1

XLOC_010366	MIR4320	chr18:47349155-47721451	0	0	0	1
XLOC_010374	STARD6	chr18:51851061-51880943	0	0	0	1
XLOC_010375	CCDC68	chr18:52568739-52626739	0	0	0	1
XLOC_010376	TCF4	chr18:52889561-53303188	0	0	0	1
XLOC_010377	LOC100505474	chr18:53750586-53804767	0	0	0	1
XLOC_010379	LINC-ROR	chr18:54721803-54739350	0	0	0	1
XLOC_010383	MIR3591	chr18:56118305-56118390	0	0	0	1
XLOC_010384	ALPK2	chr18:56148481-56296189	0	0	0	1
XLOC_010385	RAX	chr18:56934266-56940625	0	0	0	1
XLOC_010386	CPLX4	chr18:56962635-56985881	0	0	0	1
XLOC_010389	MC4R	chr18:58038563-58040001	0	0	0	1
XLOC_010395	SERPINB4	chr18:61304492-61311502	0	0	0	1
XLOC_010396	SERPINB3	chr18:61322430-61329197	0	0	0	1
XLOC_010397	LINC00305	chr18:61747242-62090827	0	0	0	1
XLOC_010398	LOC400654	chr18:61747242-62090827	0	0	0	1
XLOC_010399	CDH19	chr18:64168423-64271375	0	0	0	1
XLOC_010404	LOC100505776	chr18:69187199-69246192	0	0	0	1
XLOC_010405	CBLN2	chr18:70203914-70211723	0	0	0	1
XLOC_010406	NETO1	chr18:70409548-70534810	0	0	0	1
XLOC_010410	FAM69C	chr18:72102962-72124503	0	0	0	1
XLOC_010413	C18orf62	chr18:73121826-73139589	0	0	0	1
XLOC_010420	OR4F17	chr19:110678-111596	0	0	0	1
XLOC_010427	FGF22	chr19:639925-643604	0	0	0	1
XLOC_010429	PALM	chr19:708952-748330	0	0	0	1
XLOC_010432	MIR4745	chr19:797391-812327	0	0	0	1
XLOC_010433	MIR3187	chr19:812487-821952	0	0	0	1
XLOC_010438	KISS1R	chr19:917341-921015	0	0	0	1
XLOC_010459	ONECUT3	chr19:1753661-1775444	0	0	0	1
XLOC_010491	NMRK2	chr19:3933100-3942414	0	0	0	1
XLOC_010501	MIR4746	chr19:4445002-4457791	0	0	0	1
XLOC_010506	MIR7-3	chr19:4769116-4772568	0	0	0	1
XLOC_010509	MIR4747	chr19:4909509-4962165	0	0	0	1
XLOC_010511	ZNRF4	chr19:5455425-5456867	0	0	0	1
XLOC_010515	CATSPERD	chr19:5720687-5778742	0	0	0	1
XLOC_010528	MBD3L5	chr19:7030593-7033022	0	0	0	1
XLOC_010529	MBD3L2	chr19:7049350-7051746	0	0	0	1
XLOC_010539	RETN	chr19:7733971-7735340	0	0	0	1
XLOC_010542	CLEC4M	chr19:7828034-7834491	0	0	0	1
XLOC_010549	CCL25	chr19:8117645-8127547	0	0	0	1
XLOC_010556	OR2Z1	chr19:8841390-8842335	0	0	0	1
XLOC_010557	MBD3L1	chr19:8953268-8954016	0	0	0	1
XLOC_010558	OR1M1	chr19:9203920-9204862	0	0	0	1
XLOC_010561	OR7E24	chr19:9361719-9362739	0	0	0	1
XLOC_010567	C3P1	chr19:10152031-10184813	0	0	0	1
XLOC_010570	SNORD105	chr19:10216898-10230599	0	0	0	1
XLOC_010572	MIR4322	chr19:10332108-10341948	0	0	0	1
XLOC_010579	MIR1238	chr19:10654646-10676702	0	0	0	1
XLOC_010584	MIR638	chr19:10828728-10942586	0	0	0	1
XLOC_010585	MIR4748	chr19:10828728-10942586	0	0	0	1

XLOC_010592	TSPAN16	chr19:11406823-11450344	0	0	0	1
XLOC_010613	BEST2	chr19:12863406-12869271	0	0	0	1
XLOC_010628	MIR181C	chr19:13985512-13985622	0	0	0	1
XLOC_010629	MIR181D	chr19:13985688-13985825	0	0	0	1
XLOC_010633	RLN3	chr19:14139016-14141783	0	0	0	1
XLOC_010640	CLEC17A	chr19:14693895-14721956	0	0	0	1
XLOC_010642	OR7C2	chr19:15052300-15053260	0	0	0	1
XLOC_010643	CCDC105	chr19:15121538-15134083	0	0	0	1
XLOC_010645	OR111	chr19:15197876-15198944	0	0	0	1
XLOC_010647	MIR1470	chr19:15532317-15560762	0	0	0	1
XLOC_010648	CYP4F22	chr19:15619335-15663128	0	0	0	1
XLOC_010649	CYP4F8	chr19:15726028-15740447	0	0	0	1
XLOC_010651	CYP4F12	chr19:15783827-15807984	0	0	0	1
XLOC_010652	OR10H2	chr19:15838833-15839862	0	0	0	1
XLOC_010653	OR10H3	chr19:15852202-15853153	0	0	0	1
XLOC_010654	OR10H5	chr19:15904858-15905806	0	0	0	1
XLOC_010656	OR10H4	chr19:16059817-16060768	0	0	0	1
XLOC_010657	LINC00661	chr19:16126443-16138272	0	0	0	1
XLOC_010658	FLJ25328	chr19:16144522-16152918	0	0	0	1
XLOC_010669	F2RL3	chr19:16999825-17002830	0	0	0	1
XLOC_010685	B3GNT3	chr19:17905918-17924385	0	0	0	1
XLOC_010699	MIR3189	chr19:18496967-18499986	0	0	0	1
XLOC_010712	NCAN	chr19:19322781-19363061	0	0	0	1
XLOC_010732	ZNF257	chr19:22235265-22273903	0	0	0	1
XLOC_010733	ZNF729	chr19:22469251-22499978	0	0	0	1
XLOC_010734	LOC440518	chr19:22779058-22786352	0	0	0	1
XLOC_010737	ZNF726	chr19:24097683-24116769	0	0	0	1
XLOC_010739	LOC148145	chr19:29456037-29460055	0	0	0	1
XLOC_010740	LOC100505835	chr19:29493461-29504862	0	0	0	1
XLOC_010741	VSTM2B	chr19:30017490-30055226	0	0	0	1
XLOC_010746	ZNF536	chr19:30863327-31048965	0	0	0	1
XLOC_010747	DKFZp566F0947	chr19:31640782-31641311	0	0	0	1
XLOC_010748	THEG5	chr19:32083186-32083945	0	0	0	1
XLOC_010761	CHST8	chr19:34112860-34264414	0	0	0	1
XLOC_010769	SCGB2B3P	chr19:35136777-35136957	0	0	0	1
XLOC_010775	HPN	chr19:35531409-35597208	0	0	0	1
XLOC_010776	FXYD3	chr19:35606731-35615228	0	0	0	1
XLOC_010783	MAG	chr19:35782988-35804709	0	0	0	1
XLOC_010785	FFAR1	chr19:35842444-35843367	0	0	0	1
XLOC_010786	FFAR3	chr19:35849487-35851389	0	0	0	1
XLOC_010787	LOC100128682	chr19:35896508-35907742	0	0	0	1
XLOC_010788	FFAR2	chr19:35940616-35942669	0	0	0	1
XLOC_010802	KIRREL2	chr19:36347809-36358048	0	0	0	1
XLOC_010812	LOC100134317	chr19:36802244-36803570	0	0	0	1
XLOC_010813	LOC644189	chr19:36912075-36913799	0	0	0	1
XLOC_010839	LGALS7B	chr19:39279849-39282394	0	0	0	1
XLOC_010844	NCCRP1	chr19:39687603-39692522	0	0	0	1
XLOC_010845	IFNL2	chr19:39759156-39760732	0	0	0	1
XLOC_010846	IFNL1	chr19:39786964-39789312	0	0	0	1

XLOC_010854	SELV	chr19:40005752-40011326	0	0	0	1
XLOC_010855	LGALS13	chr19:40093168-40098114	0	0	0	1
XLOC_010856	LOC100129935	chr19:40129324-40133041	0	0	0	1
XLOC_010857	LGALS16	chr19:40146557-40151287	0	0	0	1
XLOC_010858	LGALS17A	chr19:40170013-40177013	0	0	0	1
XLOC_010859	LGALS14	chr19:40194945-40200088	0	0	0	1
XLOC_010860	LEUTX	chr19:40267233-40276775	0	0	0	1
XLOC_010872	CYP2B7P1	chr19:41430169-41456565	0	0	0	1
XLOC_010873	CYP2B6	chr19:41497203-41524301	0	0	0	1
XLOC_010874	CYP2A13	chr19:41594355-41602100	0	0	0	1
XLOC_010876	CYP2S1	chr19:41699114-41713444	0	0	0	1
XLOC_010882	C19orf69	chr19:41949062-41950670	0	0	0	1
XLOC_010883	CEACAM21	chr19:42082530-42093197	0	0	0	1
XLOC_010884	CEACAM5	chr19:42212529-42234437	0	0	0	1
XLOC_010886	CEACAM3	chr19:42300533-42315591	0	0	0	1
XLOC_010887	DMRTC2	chr19:42349085-42356397	0	0	0	1
XLOC_010899	LOC100289650	chr19:43326014-43331030	0	0	0	1
XLOC_010900	PRG1	chr19:43853207-43853700	0	0	0	1
XLOC_010901	CD177	chr19:43857824-43867480	0	0	0	1
XLOC_010924	CEACAM16	chr19:45202420-45213986	0	0	0	1
XLOC_010926	CBLC	chr19:45281125-45303903	0	0	0	1
XLOC_010933	APOC2,APOC4	chr19:45445494-45452822	0	0	0	1
XLOC_010948	MIR642A	chr19:46171501-46185717	0	0	0	1
XLOC_010951	FOXA3	chr19:46367517-46377055	0	0	0	1
XLOC_010953	MIR769	chr19:46522189-46522307	0	0	0	1
XLOC_010955	DKFZp434J0226	chr19:46713498-46718094	0	0	0	1
XLOC_010956	IGFL1	chr19:46720994-46846690	0	0	0	1
XLOC_010965	MIR3190	chr19:47724078-47736023	0	0	0	1
XLOC_010978	SNAR-A13	chr19:48410934-48411056	0	0	0	1
XLOC_010979	SNAR-C2	chr19:48416307-48416427	0	0	0	1
XLOC_010980	SNAR-A2	chr19:48421685-48421807	0	0	0	1
XLOC_010981	SNAR-A8	chr19:48427035-48427156	0	0	0	1
XLOC_010982	SNAR-C5	chr19:48432074-48432194	0	0	0	1
XLOC_010983	SNAR-A2	chr19:48437437-48437559	0	0	0	1
XLOC_010984	SNAR-C4	chr19:48442797-48442917	0	0	0	1
XLOC_010985	SNAR-A13	chr19:48448178-48448300	0	0	0	1
XLOC_010986	SNAR-C3	chr19:48453552-48453671	0	0	0	1
XLOC_010987	SNAR-C5	chr19:48458938-48459058	0	0	0	1
XLOC_010988	ELSPBP1	chr19:48497907-48528410	0	0	0	1
XLOC_011002	FGF21	chr19:49259343-49261582	0	0	0	1
XLOC_011018	CCDC155	chr19:49891474-49921256	0	0	0	1
XLOC_011025	SNORD34	chr19:49990810-49995564	0	0	0	1
XLOC_011036	MIR5088	chr19:50180408-50191707	0	0	0	1
XLOC_011042	MIR4749	chr19:50341902-50363999	0	0	0	1
XLOC_011044	MIR4750	chr19:50380681-50392007	0	0	0	1
XLOC_011061	KLK3	chr19:51358170-51364020	0	0	0	1
XLOC_011064	SIGLEC7	chr19:51645557-51656783	0	0	0	1
XLOC_011065	SIGLEC7P	chr19:51670584-51676780	0	0	0	1
XLOC_011067	SIGLECL1	chr19:51760963-51772582	0	0	0	1

XLOC_011070	CEACAM18	chr19:51979837-51986611	0	0	0	1
XLOC_011072	MIR99B	chr19:52195864-52195934	0	0	0	1
XLOC_011073	MIRLET7E	chr19:52196038-52196117	0	0	0	1
XLOC_011074	MIR125A	chr19:52196506-52196592	0	0	0	1
XLOC_011076	FPR2	chr19:52264452-52273779	0	0	0	1
XLOC_011081	MIR643	chr19:52772823-52795976	0	0	0	1
XLOC_011086	ZNF534	chr19:52934666-52942699	0	0	0	1
XLOC_011092	ERVV-2	chr19:53547990-53554380	0	0	0	1
XLOC_011095	FAM90A27P	chr19:53785542-53787602	0	0	0	1
XLOC_011102	DPRX	chr19:54135309-54140263	0	0	0	1
XLOC_011103	MIR512-2	chr19:54169926-54170024	0	0	0	1
XLOC_011104	MIR512-2	chr19:54172410-54172508	0	0	0	1
XLOC_011105	MIR1323	chr19:54175221-54175294	0	0	0	1
XLOC_011106	MIR498	chr19:54177450-54177574	0	0	0	1
XLOC_011107	MIR520E	chr19:54178964-54179051	0	0	0	1
XLOC_011108	MIR515-2	chr19:54182256-54182339	0	0	0	1
XLOC_011109	MIR519E	chr19:54183193-54183277	0	0	0	1
XLOC_011110	MIR520F	chr19:54185412-54185499	0	0	0	1
XLOC_011111	MIR515-1	chr19:54188262-54188345	0	0	0	1
XLOC_011112	MIR519C	chr19:54189722-54189809	0	0	0	1
XLOC_011113	MIR1283-1	chr19:54191734-54191821	0	0	0	1
XLOC_011114	MIR520A	chr19:54194134-54194219	0	0	0	1
XLOC_011115	MIR526B	chr19:54197646-54197729	0	0	0	1
XLOC_011116	MIR519B	chr19:54198466-54198547	0	0	0	1
XLOC_011117	MIR525	chr19:54200786-54200871	0	0	0	1
XLOC_011118	MIR523	chr19:54201638-54201725	0	0	0	1
XLOC_011119	MIR518F	chr19:54203268-54203355	0	0	0	1
XLOC_011120	MIR520B	chr19:54204480-54204541	0	0	0	1
XLOC_011121	MIR518B	chr19:54205990-54206073	0	0	0	1
XLOC_011122	MIR526A1	chr19:54209505-54209590	0	0	0	1
XLOC_011123	MIR520C	chr19:54210706-54210793	0	0	0	1
XLOC_011124	MIR518C	chr19:54211988-54212089	0	0	0	1
XLOC_011125	MIR524	chr19:54214255-54214342	0	0	0	1
XLOC_011126	MIR517A	chr19:54215521-54215608	0	0	0	1
XLOC_011127	MIR519D	chr19:54216600-54216688	0	0	0	1
XLOC_011128	MIR521-2	chr19:54219847-54219934	0	0	0	1
XLOC_011129	MIR520D	chr19:54223349-54223436	0	0	0	1
XLOC_011130	MIR517B	chr19:54224329-54224396	0	0	0	1
XLOC_011131	MIR520G	chr19:54225419-54225509	0	0	0	1
XLOC_011132	MIR516B2	chr19:54228695-54228780	0	0	0	1
XLOC_011133	MIR526A2	chr19:54230175-54230240	0	0	0	1
XLOC_011134	MIR518E	chr19:54233091-54233179	0	0	0	1
XLOC_011135	MIR518A1	chr19:54234259-54234344	0	0	0	1
XLOC_011136	MIR518D	chr19:54238130-54238217	0	0	0	1
XLOC_011137	MIR516B1	chr19:54240098-54240188	0	0	0	1
XLOC_011138	MIR518A2	chr19:54242586-54242673	0	0	0	1
XLOC_011139	MIR517C	chr19:54244566-54244661	0	0	0	1
XLOC_011140	MIR520H	chr19:54245765-54245853	0	0	0	1
XLOC_011141	MIR521-1	chr19:54251889-54251976	0	0	0	1

XLOC_011142	MIR522	chr19:54254464-54254551	0	0	0	1
XLOC_011143	MIR519A1	chr19:54255650-54255735	0	0	0	1
XLOC_011144	MIR527	chr19:54257271-54257356	0	0	0	1
XLOC_011145	MIR516A1	chr19:54259994-54260084	0	0	0	1
XLOC_011146	MIR1283-2	chr19:54261485-54261572	0	0	0	1
XLOC_011147	MIR516A2	chr19:54264386-54264476	0	0	0	1
XLOC_011148	MIR519A2	chr19:54265597-54265684	0	0	0	1
XLOC_011149	MIR371A	chr19:54290928-54290996	0	0	0	1
XLOC_011150	MIR372	chr19:54291143-54291210	0	0	0	1
XLOC_011151	MIR373	chr19:54291958-54292027	0	0	0	1
XLOC_011162	MIR4752	chr19:54785963-54786035	0	0	0	1
XLOC_011166	KIR3DX1	chr19:55043908-55055195	0	0	0	1
XLOC_011168	LILRA1	chr19:55105040-55113687	0	0	0	1
XLOC_011170	LILRB4	chr19:55174123-55179846	0	0	0	1
XLOC_011171	LILRP2	chr19:55219600-55224887	0	0	0	1
XLOC_011172	KIR3DL3	chr19:55235983-55248003	0	0	0	1
XLOC_011173	KIR2DL3	chr19:55249973-55264504	0	0	0	1
XLOC_011174	KIR2DL1	chr19:55281264-55295778	0	0	0	1
XLOC_011175	KIR2DL4,LOC100	chr19:55304499-55325972	0	0	0	1
XLOC_011176	KIR3DL1	chr19:55327892-55342233	0	0	0	1
XLOC_011177	KIR2DS4	chr19:55344173-55360023	0	0	0	1
XLOC_011178	KIR3DL2	chr19:55361897-55378670	0	0	0	1
XLOC_011180	NCR1	chr19:55417507-55424439	0	0	0	1
XLOC_011181	NLRP2	chr19:55476651-55512510	0	0	0	1
XLOC_011200	NLRP5	chr19:56511091-56573174	0	0	0	1
XLOC_011202	GALP	chr19:56687388-56697144	0	0	0	1
XLOC_011206	LOC100128252	chr19:56989242-57006805	0	0	0	1
XLOC_011207	ZNF471	chr19:57019211-57040269	0	0	0	1
XLOC_011209	ZNF470	chr19:57078889-57094262	0	0	0	1
XLOC_011212	PEG3-AS1	chr19:57285922-57352097	0	0	0	1
XLOC_011213	MIMT1	chr19:57352269-57359922	0	0	0	1
XLOC_011214	USP29	chr19:57631508-57643293	0	0	0	1
XLOC_011229	ZNF530	chr19:58111252-58119637	0	0	0	1
XLOC_011230	ZNF134	chr19:58125829-58133636	0	0	0	1
XLOC_011232	ZSCAN4	chr19:58180302-58190520	0	0	0	1
XLOC_011238	LOC100128398	chr19:58488440-58518574	0	0	0	1
XLOC_011239	ZSCAN1	chr19:58545433-58565999	0	0	0	1
XLOC_011240	ZNF135	chr19:58570606-58581110	0	0	0	1
XLOC_011247	LOC646862	chr19:58907456-58908446	0	0	0	1
XLOC_011256	FAM138A	chr19:76219-77690	0	0	0	1
XLOC_011260	THEG	chr19:362056-376013	0	0	0	1
XLOC_011267	LPPR3	chr19:812487-821952	0	0	0	1
XLOC_011293	MIR1227	chr19:2233154-2236328	0	0	0	1
XLOC_011314	RAX2	chr19:3769088-3772219	0	0	0	1
XLOC_011320	SNORD37	chr19:3976053-3985461	0	0	0	1
XLOC_011336	ARRDC5	chr19:4890448-4902879	0	0	0	1
XLOC_011337	PTPRS	chr19:5205518-5340814	0	0	0	1
XLOC_011366	MBD3L4	chr19:7037754-7040184	0	0	0	1
XLOC_011367	MBD3L3	chr19:7056215-7058645	0	0	0	1

XLOC_011374	CLEC4G	chr19:7793842-7797057	0	0	0	1
XLOC_011386	MIR4999	chr19:8439259-8469317	0	0	0	1
XLOC_011390	ADAMTS10	chr19:8645125-8675588	0	0	0	1
XLOC_011391	ACTL9	chr19:8807750-8809172	0	0	0	1
XLOC_011393	MUC16	chr19:8959519-9092018	0	0	0	1
XLOC_011394	OR7G2	chr19:9212944-9213982	0	0	0	1
XLOC_011395	OR7G1	chr19:9225503-9226439	0	0	0	1
XLOC_011396	OR7G3	chr19:9236687-9237626	0	0	0	1
XLOC_011397	OR7D4	chr19:9324525-9325547	0	0	0	1
XLOC_011405	ZNF812	chr19:9800813-9811493	0	0	0	1
XLOC_011409	COL5A3	chr19:10070236-10121147	0	0	0	1
XLOC_011426	MIR199A1	chr19:10828728-10942586	0	0	0	1
XLOC_011458	SNORD41	chr19:12810007-12834810	0	0	0	1
XLOC_011471	CACNA1A	chr19:13317255-13617274	0	0	0	1
XLOC_011473	MIR27A	chr19:13947253-13947331	0	0	0	1
XLOC_011474	MIR23A	chr19:13947400-13947473	0	0	0	1
XLOC_011488	EMR3	chr19:14730050-14785730	0	0	0	1
XLOC_011490	OR7C1	chr19:14909985-14910948	0	0	0	1
XLOC_011491	OR7A5	chr19:14937138-14939276	0	0	0	1
XLOC_011492	OR7A10	chr19:14951759-14952689	0	0	0	1
XLOC_011493	OR7A17	chr19:14991237-14992167	0	0	0	1
XLOC_011494	SLC1A6	chr19:15060844-15121455	0	0	0	1
XLOC_011502	RASAL3	chr19:15562437-15575382	0	0	0	1
XLOC_011503	PGLYRP2	chr19:15579456-15590315	0	0	0	1
XLOC_011504	CYP4F24P	chr19:15870143-15890798	0	0	0	1
XLOC_011508	CIB3	chr19:16272178-16284286	0	0	0	1
XLOC_011515	CPAMD8	chr19:17003761-17137625	0	0	0	1
XLOC_011528	IL12RB1	chr19:18170370-18197697	0	0	0	1
XLOC_011531	LOC729966	chr19:18360759-18366229	0	0	0	1
XLOC_011540	COMP	chr19:18893582-18902114	0	0	0	1
XLOC_011548	HAPLN4	chr19:19366451-19373596	0	0	0	1
XLOC_011559	ZNF682	chr19:20115226-20150277	0	0	0	1
XLOC_011560	MIR1270-2	chr19:20510080-20510163	0	0	0	1
XLOC_011561	ZNF826P	chr19:20578625-20607771	0	0	0	1
XLOC_011562	MIR1270-2	chr19:20578625-20607771	0	0	0	1
XLOC_011564	ZNF626	chr19:20802744-20844402	0	0	0	1
XLOC_011569	ZNF676	chr19:22361902-22379753	0	0	0	1
XLOC_011570	ZNF98	chr19:22573898-22605148	0	0	0	1
XLOC_011572	ZNF728	chr19:23157684-23186010	0	0	0	1
XLOC_011580	LOC284395	chr19:29777917-30016659	0	0	0	1
XLOC_011582	TSHZ3	chr19:31765850-31840190	0	0	0	1
XLOC_011594	LOC400685	chr19:35307057-35323773	0	0	0	1
XLOC_011595	LOC100652909	chr19:35382932-35389847	0	0	0	1
XLOC_011597	LOC100128675	chr19:35531409-35597208	0	0	0	1
XLOC_011604	ATP4A	chr19:36041094-36054560	0	0	0	1
XLOC_011609	PRODH2	chr19:36290891-36304201	0	0	0	1
XLOC_011612	TYROBP	chr19:36395302-36399211	0	0	0	1
XLOC_011639	LOC100631378	chr19:38308050-38345836	0	0	0	1
XLOC_011642	PPP1R14A	chr19:38741876-38747231	0	0	0	1

XLOC_011648	LGALS7	chr19:39261607-39264157	0	0	0	1
XLOC_011658	SYCN	chr19:39693561-39694906	0	0	0	1
XLOC_011659	IFNL3	chr19:39734271-39735611	0	0	0	1
XLOC_011660	IFNL4	chr19:39736953-39739496	0	0	0	1
XLOC_011661	LRFN1	chr19:39797456-39805976	0	0	0	1
XLOC_011664	MIR4530	chr19:39900262-39900318	0	0	0	1
XLOC_011668	CLC	chr19:40221892-40228669	0	0	0	1
XLOC_011677	MIR641	chr19:40736223-40791302	0	0	0	1
XLOC_011688	CYP2A7	chr19:41381343-41388657	0	0	0	1
XLOC_011695	CEACAM4	chr19:42125343-42133442	0	0	0	1
XLOC_011696	CEACAM7	chr19:42177234-42192096	0	0	0	1
XLOC_011702	MIR4323	chr19:42636780-42641251	0	0	0	1
XLOC_011709	CXCL17	chr19:42901299-43156507	0	0	0	1
XLOC_011714	PSG10P	chr19:43341148-43359870	0	0	0	1
XLOC_011716	PSG6	chr19:43406233-43422076	0	0	0	1
XLOC_011717	PSG7	chr19:43428283-43441330	0	0	0	1
XLOC_011719	PSG2	chr19:43568361-43586893	0	0	0	1
XLOC_011721	PSG4	chr19:43696853-43709926	0	0	0	1
XLOC_011722	LOC284344	chr19:43715942-43752798	0	0	0	1
XLOC_011744	CEACAM20	chr19:45010210-45033548	0	0	0	1
XLOC_011746	MIR4531	chr19:45147097-45169428	0	0	0	1
XLOC_011759	MIR330	chr19:46112657-46148775	0	0	0	1
XLOC_011760	MIR642B	chr19:46171501-46185717	0	0	0	1
XLOC_011770	NANOS2	chr19:46416472-46418036	0	0	0	1
XLOC_011771	NOVA2	chr19:46442770-46476657	0	0	0	1
XLOC_011773	IGFL4	chr19:46543005-46544274	0	0	0	1
XLOC_011774	IGFL3	chr19:46623327-46627931	0	0	0	1
XLOC_011775	RNU6-66	chr19:46720994-46846690	0	0	0	1
XLOC_011776	CCDC8	chr19:46913585-46916919	0	0	0	1
XLOC_011777	PNMAL1	chr19:46969747-46974820	0	0	0	1
XLOC_011779	PNMAL2	chr19:46984044-47104457	0	0	0	1
XLOC_011780	PTGIR	chr19:47123724-47128354	0	0	0	1
XLOC_011784	MIR320E	chr19:47150868-47220384	0	0	0	1
XLOC_011787	SNAR-E	chr19:47333841-47333961	0	0	0	1
XLOC_011792	MIR3191	chr19:47724078-47736023	0	0	0	1
XLOC_011797	ZNF541	chr19:48023946-48059113	0	0	0	1
XLOC_011798	TPRX1	chr19:48304499-48306861	0	0	0	1
XLOC_011799	SULT2A1	chr19:48373722-48389654	0	0	0	1
XLOC_011800	BSPH1	chr19:48471302-48495427	0	0	0	1
XLOC_011826	SNAR-G2	chr19:49534925-49535044	0	0	0	1
XLOC_011835	MIR4324	chr19:49792891-49828474	0	0	0	1
XLOC_011840	MIR150	chr19:50004041-50004125	0	0	0	1
XLOC_011844	TSKS	chr19:50243010-50266515	0	0	0	1
XLOC_011852	SNAR-A8	chr19:50595745-50595866	0	0	0	1
XLOC_011853	SNAR-A4	chr19:50601082-50601203	0	0	0	1
XLOC_011854	SNAR-A10	chr19:50604147-50604268	0	0	0	1
XLOC_011855	SNAR-A7	chr19:50607211-50607332	0	0	0	1
XLOC_011856	SNAR-A14	chr19:50610270-50610391	0	0	0	1
XLOC_011857	SNAR-A3	chr19:50615624-50615745	0	0	0	1

XLOC_011858	SNAR-A6	chr19:50620976-50621097	0	0	0	1
XLOC_011859	SNAR-A10	chr19:50626330-50626451	0	0	0	1
XLOC_011860	SNAR-A8	chr19:50631658-50631779	0	0	0	1
XLOC_011861	SNAR-B1	chr19:50637001-50637121	0	0	0	1
XLOC_011862	SNAR-B2	chr19:50642374-50642494	0	0	0	1
XLOC_011863	SNAR-D	chr19:50643458-50643577	0	0	0	1
XLOC_011864	IZUMO2	chr19:50655804-50666538	0	0	0	1
XLOC_011865	KCNC3	chr19:50818764-50832634	0	0	0	1
XLOC_011866	NAPSB	chr19:50837056-50848005	0	0	0	1
XLOC_011875	SNORD88B	chr19:51300960-51307974	0	0	0	1
XLOC_011877	SNORD88C	chr19:51300960-51307974	0	0	0	1
XLOC_011882	KLK5	chr19:51446558-51456344	0	0	0	1
XLOC_011884	KLK7	chr19:51479734-51487320	0	0	0	1
XLOC_011885	KLK8	chr19:51499263-51504958	0	0	0	1
XLOC_011886	KLK9	chr19:51505768-51512890	0	0	0	1
XLOC_011889	KLK12	chr19:51532347-51538148	0	0	0	1
XLOC_011890	KLK13	chr19:51559462-51568367	0	0	0	1
XLOC_011896	NKG7	chr19:51874873-51875960	0	0	0	1
XLOC_011897	LIM2	chr19:51883162-51891210	0	0	0	1
XLOC_011900	SIGLEC8	chr19:51954250-51961708	0	0	0	1
XLOC_011902	SIGLEC6	chr19:52022783-52035110	0	0	0	1
XLOC_011904	SIGLEC5	chr19:52114755-52133727	0	0	0	1
XLOC_011905	SIGLEC14	chr19:52145805-52150132	0	0	0	1
XLOC_011907	FPR1	chr19:52249022-52255150	0	0	0	1
XLOC_011926	ZNF415	chr19:53611131-53636173	0	0	0	1
XLOC_011930	VN1R4	chr19:53770012-53770918	0	0	0	1
XLOC_011931	BIRC8	chr19:53792853-53794875	0	0	0	1
XLOC_011932	LOC284379	chr19:54102884-54106751	0	0	0	1
XLOC_011933	MIR371B	chr19:54290928-54290996	0	0	0	1
XLOC_011936	TARM1	chr19:54573200-54584634	0	0	0	1
XLOC_011944	LILRB5	chr19:54754269-54761167	0	0	0	1
XLOC_011945	LILRB2	chr19:54777674-54785033	0	0	0	1
XLOC_011946	LILRA3	chr19:54799854-54804265	0	0	0	1
XLOC_011947	LILRA5	chr19:54818352-54824409	0	0	0	1
XLOC_011948	LILRA4	chr19:54844691-54850421	0	0	0	1
XLOC_011952	NLRP7	chr19:55434876-55458873	0	0	0	1
XLOC_011953	RNU6-64	chr19:55471012-55471043	0	0	0	1
XLOC_011967	FAM71E2	chr19:55866275-55874620	0	0	0	1
XLOC_011973	SBK2	chr19:56041099-56048435	0	0	0	1
XLOC_011974	SGK110	chr19:56052022-56056909	0	0	0	1
XLOC_011980	NLRP13	chr19:56407310-56443702	0	0	0	1
XLOC_011987	PEG3,ZIM2	chr19:57285922-57352097	0	0	0	1
XLOC_011988	ZIM3	chr19:57645463-57656570	0	0	0	1
XLOC_012000	ZNF418	chr19:58433251-58446740	0	0	0	1
XLOC_012001	ZNF256	chr19:58452200-58459077	0	0	0	1
XLOC_012002	C19orf18	chr19:58469804-58485902	0	0	0	1
XLOC_012003	ZNF606	chr19:58488440-58518574	0	0	0	1
XLOC_012009	MIR4754	chr19:58898136-58898225	0	0	0	1
XLOC_012027	TPO	chr2:1417232-1546499	0	0	0	1

XLOC_012028	LOC730811	chr2:1792884-2335045	0	0	0	1
XLOC_012035	LOC150622	chr2:6072818-6120350	0	0	0	1
XLOC_012036	LOC400940	chr2:6122109-6128364	0	0	0	1
XLOC_012051	KCNF1	chr2:11052062-11054351	0	0	0	1
XLOC_012058	MIR3125	chr2:12856997-12882858	0	0	0	1
XLOC_012061	MYCN	chr2:16080019-16087129	0	0	0	1
XLOC_012064	MSGN1	chr2:17997785-17998367	0	0	0	1
XLOC_012065	KCNS3	chr2:18059944-18114225	0	0	0	1
XLOC_012066	MIR4757	chr2:19548189-19548266	0	0	0	1
XLOC_012067	FLJ12334	chr2:20068614-20084808	0	0	0	1
XLOC_012069	GDF7	chr2:20866423-20871250	0	0	0	1
XLOC_012072	MFSD2B	chr2:24232952-24247145	0	0	0	1
XLOC_012085	C2orf70	chr2:26785480-26802395	0	0	0	1
XLOC_012096	TCF23	chr2:27371944-27375819	0	0	0	1
XLOC_012099	DNAJC5G	chr2:27498288-27504296	0	0	0	1
XLOC_012112	MIR4263	chr2:28004265-28561767	0	0	0	1
XLOC_012118	SNORD92	chr2:29117532-29171080	0	0	0	1
XLOC_012119	SNORD53	chr2:29117532-29171080	0	0	0	1
XLOC_012125	EHD3	chr2:31456879-31491260	0	0	0	1
XLOC_012130	MIR558	chr2:32582095-32843965	0	0	0	1
XLOC_012132	MIR4765	chr2:32853086-33046118	0	0	0	1
XLOC_012133	LINC00486	chr2:33050509-33171202	0	0	0	1
XLOC_012134	LOC100271832	chr2:33050509-33171202	0	0	0	1
XLOC_012138	VIT	chr2:36923832-37041937	0	0	0	1
XLOC_012152	LOC388942	chr2:42104694-42121186	0	0	0	1
XLOC_012159	ABCG8	chr2:44066102-44105605	0	0	0	1
XLOC_012174	MIR559	chr2:47596286-47614167	0	0	0	1
XLOC_012190	CCDC85A	chr2:56411257-56613309	0	0	0	1
XLOC_012192	FLJ30838	chr2:58747887-59290901	0	0	0	1
XLOC_012201	MIR5192	chr2:62423261-62451866	0	0	0	1
XLOC_012208	MIR4434	chr2:64751438-64820138	0	0	0	1
XLOC_012209	LOC339807	chr2:64834445-64843616	0	0	0	1
XLOC_012216	PLEK	chr2:68592321-68624585	0	0	0	1
XLOC_012218	PROKR1	chr2:68872953-68882708	0	0	0	1
XLOC_012220	GKN1	chr2:69201704-69208112	0	0	0	1
XLOC_012221	ANTXR1	chr2:69240275-69476459	0	0	0	1
XLOC_012222	MIR3126	chr2:69240275-69476459	0	0	0	1
XLOC_012232	OR7E91P	chr2:71251204-71257060	0	0	0	1
XLOC_012238	EMX1	chr2:73144603-73162020	0	0	0	1
XLOC_012239	NOTO	chr2:73429385-73438340	0	0	0	1
XLOC_012244	C2orf78	chr2:74011315-74044274	0	0	0	1
XLOC_012262	MIR5000	chr2:75273589-75426645	0	0	0	1
XLOC_012264	REG3G	chr2:79252811-79255630	0	0	0	1
XLOC_012265	REG1A	chr2:79347583-79350545	0	0	0	1
XLOC_012267	LOC1720	chr2:83083926-83084893	0	0	0	1
XLOC_012268	FUNDC2P2	chr2:84517805-84519324	0	0	0	1
XLOC_012289	RGPD1,RGPD2	chr2:87140934-87248973	0	0	0	1
XLOC_012291	MIR4435-1	chr2:87929273-87929353	0	0	0	1
XLOC_012293	SMYD1	chr2:88367298-88412902	0	0	0	1

XLOC_012294	THNSL2	chr2:88469813-88486156	0	0	0	1
XLOC_012298	MIR4436A	chr2:89111883-89111968	0	0	0	1
XLOC_012300	ACTR3BP2	chr2:92129158-92130496	0	0	0	1
XLOC_012302	MAL	chr2:95691399-95719737	0	0	0	1
XLOC_012307	TRIM43	chr2:96257765-96265469	0	0	0	1
XLOC_012311	ITPRIPL1	chr2:96991061-96994091	0	0	0	1
XLOC_012316	MIR3127	chr2:97426638-97477628	0	0	0	1
XLOC_012323	VWA3B	chr2:98703594-98929410	0	0	0	1
XLOC_012324	CNGA3	chr2:98962617-99015064	0	0	0	1
XLOC_012331	NMS	chr2:101086943-101099742	0	0	0	1
XLOC_012336	MIR5696	chr2:101925911-101925996	0	0	0	1
XLOC_012338	IL1R2	chr2:102608305-102644884	0	0	0	1
XLOC_012340	IL1RL2	chr2:102803432-102855811	0	0	0	1
XLOC_012344	MIR4772	chr2:103035253-103069024	0	0	0	1
XLOC_012348	LOC150568	chr2:105050804-105129215	0	0	0	1
XLOC_012349	POU3F3	chr2:105471968-105473471	0	0	0	1
XLOC_012351	GPR45	chr2:105858199-105859924	0	0	0	1
XLOC_012355	PLGLA	chr2:106998569-107007851	0	0	0	1
XLOC_012357	SLC5A7	chr2:108602994-108630443	0	0	0	1
XLOC_012358	SULT1C3	chr2:108863650-108881807	0	0	0	1
XLOC_012360	SULT1C2P1	chr2:108938693-108970254	0	0	0	1
XLOC_012361	SULT1C4	chr2:108994420-109004270	0	0	0	1
XLOC_012369	LIMS3L	chr2:110656008-110726149	0	0	0	1
XLOC_012371	LOC100507334	chr2:111003214-111024135	0	0	0	1
XLOC_012372	MIR4436B2	chr2:111042429-111042520	0	0	0	1
XLOC_012373	ACOXL	chr2:111490149-111875799	0	0	0	1
XLOC_012384	IL36G	chr2:113735605-113743227	0	0	0	1
XLOC_012385	IL36A	chr2:113763448-113765621	0	0	0	1
XLOC_012386	IL36RN	chr2:113816214-113822320	0	0	0	1
XLOC_012387	IL1F10	chr2:113825546-113833427	0	0	0	1
XLOC_012388	IL1RN	chr2:113875469-113891593	0	0	0	1
XLOC_012394	FAM138B	chr2:114334958-114336429	0	0	0	1
XLOC_012399	DPP10	chr2:115199898-116602326	0	0	0	1
XLOC_012402	MARCO	chr2:119699744-119752236	0	0	0	1
XLOC_012406	PCDP1	chr2:120302007-120414237	0	0	0	1
XLOC_012412	GLI2	chr2:121554866-121750229	0	0	0	1
XLOC_012416	CNTNAP5	chr2:124782863-125672863	0	0	0	1
XLOC_012417	GYPC	chr2:127413510-127454251	0	0	0	1
XLOC_012420	GPR17	chr2:128395995-128439360	0	0	0	1
XLOC_012423	RAB6C	chr2:130724164-130740311	0	0	0	1
XLOC_012428	CFC1B	chr2:131278666-131285565	0	0	0	1
XLOC_012429	LOC646743,TISP2	chr2:131328401-131341734	0	0	0	1
XLOC_012430	CYP4F30P	chr2:131437622-131443435	0	0	0	1
XLOC_012431	GPR148	chr2:131486642-131487909	0	0	0	1
XLOC_012435	POTEE	chr2:131975923-132022416	0	0	0	1
XLOC_012437	LOC389043	chr2:132160473-132165801	0	0	0	1
XLOC_012438	RNU6-81	chr2:132202795-132360468	0	0	0	1
XLOC_012444	MIR3679	chr2:134884695-134884763	0	0	0	1
XLOC_012446	ACMSD	chr2:135596185-135676176	0	0	0	1

XLOC_012450	MIR128-1	chr2:136289082-136482839	0	0	0	1
XLOC_012452	LOC100507600	chr2:136545414-136594750	0	0	0	1
XLOC_012453	THSD7B	chr2:137748461-138435287	0	0	0	1
XLOC_012454	HNMT	chr2:138721807-138773934	0	0	0	1
XLOC_012457	KYNU	chr2:143635194-143799885	0	0	0	1
XLOC_012458	ARHGAP15	chr2:143886898-144525921	0	0	0	1
XLOC_012459	ZEB2-AS1	chr2:145141941-145278465	0	0	0	1
XLOC_012460	DKFZp686O1327	chr2:145425533-145834291	0	0	0	1
XLOC_012465	KIF5C	chr2:149632791-149883273	0	0	0	1
XLOC_012466	LYPD6B	chr2:149894980-150071772	0	0	0	1
XLOC_012468	TNFAIP6	chr2:152214105-152236562	0	0	0	1
XLOC_012469	MIR4773-1	chr2:152214105-152236562	0	0	0	1
XLOC_012473	GALNT13	chr2:154728425-155313950	0	0	0	1
XLOC_012474	KCNJ3	chr2:155555092-155714864	0	0	0	1
XLOC_012476	GALNT5	chr2:158114339-158167913	0	0	0	1
XLOC_012477	UPP2	chr2:158851690-158992666	0	0	0	1
XLOC_012478	CCDC148-AS1	chr2:159023161-159313265	0	0	0	1
XLOC_012480	DAPL1	chr2:159651828-159672496	0	0	0	1
XLOC_012486	SLC4A10	chr2:162480844-162841786	0	0	0	1
XLOC_012489	CSRNP3	chr2:166326156-166545917	0	0	0	1
XLOC_012490	LOC100506134	chr2:166729871-166810348	0	0	0	1
XLOC_012491	XIRP2	chr2:167744996-168116261	0	0	0	1
XLOC_012494	MIR4774	chr2:169312758-169642939	0	0	0	1
XLOC_012496	G6PC2	chr2:169757749-169766510	0	0	0	1
XLOC_012497	DHRS9	chr2:169921298-169952677	0	0	0	1
XLOC_012499	KLHL41	chr2:170366211-170382772	0	0	0	1
XLOC_012504	MYO3B	chr2:171034654-171511674	0	0	0	1
XLOC_012520	LOC285084	chr2:175190754-175195370	0	0	0	1
XLOC_012521	SP9	chr2:175199820-175202268	0	0	0	1
XLOC_012523	HOXD13	chr2:176957531-176960666	0	0	0	1
XLOC_012524	HOXD12	chr2:176964529-176965488	0	0	0	1
XLOC_012526	HOXD10	chr2:176981491-176984670	0	0	0	1
XLOC_012529	MIR10B	chr2:177015030-177015140	0	0	0	1
XLOC_012537	OSBPL6	chr2:179059207-179672150	0	0	0	1
XLOC_012542	ITGA4	chr2:182321618-182521834	0	0	0	1
XLOC_012544	PPP1R1C	chr2:182818967-182996109	0	0	0	1
XLOC_012548	ZNF804A	chr2:185463092-185804214	0	0	0	1
XLOC_012554	MIR561	chr2:189156395-189460652	0	0	0	1
XLOC_012555	COL3A1	chr2:189839098-189877472	0	0	0	1
XLOC_012556	MIR1245A	chr2:189839098-189877472	0	0	0	1
XLOC_012568	PCGEM1	chr2:193614570-193641625	0	0	0	1
XLOC_012574	PLCL1	chr2:198669425-199014608	0	0	0	1
XLOC_012581	AOX2P	chr2:201560445-201658941	0	0	0	1
XLOC_012589	CDK15	chr2:202671151-202760273	0	0	0	1
XLOC_012592	SNORD70	chr2:203130514-203168384	0	0	0	1
XLOC_012593	SNORD11B	chr2:203130514-203168384	0	0	0	1
XLOC_012594	SNORD11	chr2:203130514-203168384	0	0	0	1
XLOC_012601	CD28	chr2:204571197-204603636	0	0	0	1
XLOC_012602	CTLA4	chr2:204732510-204738683	0	0	0	1

XLOC_012603	ICOS	chr2:204801470-204826298	0	0	0	1
XLOC_012607	SNORD51	chr2:207024317-207027653	0	0	0	1
XLOC_012610	ADAM23	chr2:207308367-207482679	0	0	0	1
XLOC_012611	LOC200726	chr2:207507141-207514173	0	0	0	1
XLOC_012613	MIR3130-2	chr2:207630111-207660911	0	0	0	1
XLOC_012617	LOC100507443	chr2:208983852-209021486	0	0	0	1
XLOC_012620	PTH2R	chr2:209224568-209359231	0	0	0	1
XLOC_012622	UNC80	chr2:210636716-210864024	0	0	0	1
XLOC_012625	CPS1-IT1	chr2:211342405-211543831	0	0	0	1
XLOC_012627	VWC2L	chr2:215276460-215440653	0	0	0	1
XLOC_012628	VWC2L-IT1	chr2:215276460-215440653	0	0	0	1
XLOC_012644	MIR26B	chr2:219263060-219270664	0	0	0	1
XLOC_012645	VIL1	chr2:219283837-219314248	0	0	0	1
XLOC_012652	WNT6	chr2:219724545-219738954	0	0	0	1
XLOC_012654	CDK5R2	chr2:219824349-219826877	0	0	0	1
XLOC_012655	LINC00608	chr2:219841005-219842644	0	0	0	1
XLOC_012656	LOC100129175	chr2:219866936-219906245	0	0	0	1
XLOC_012663	DES	chr2:220283098-220291461	0	0	0	1
XLOC_012671	CCDC140	chr2:223064605-223169936	0	0	0	1
XLOC_012673	MOGAT1	chr2:223536456-223574649	0	0	0	1
XLOC_012677	NYAP2	chr2:226265601-226518734	0	0	0	1
XLOC_012678	MIR548AR	chr2:226628160-226628181	0	0	0	1
XLOC_012679	LOC646736	chr2:227007509-227044778	0	0	0	1
XLOC_012681	COL4A3	chr2:228029280-228179508	0	0	0	1
XLOC_012684	CCL20	chr2:228678557-228682280	0	0	0	1
XLOC_012692	LOC151484	chr2:231751260-231769232	0	0	0	1
XLOC_012693	SPATA3	chr2:231860838-231871999	0	0	0	1
XLOC_012697	MIR4777	chr2:232063293-232238606	0	0	0	1
XLOC_012699	C2orf57	chr2:232457574-232458994	0	0	0	1
XLOC_012703	ALPP	chr2:233243347-233247599	0	0	0	1
XLOC_012704	ALPPL2	chr2:233271551-233275424	0	0	0	1
XLOC_012705	ALPI	chr2:233320832-233324742	0	0	0	1
XLOC_012707	CHRNA	chr2:233390869-233401375	0	0	0	1
XLOC_012713	NEU2	chr2:233897381-233899767	0	0	0	1
XLOC_012720	UGT1A1,UGT1A1	chr2:234526290-234681951	0	0	0	1
XLOC_012721	TRPM8	chr2:234826042-234928166	0	0	0	1
XLOC_012722	SPP2	chr2:234959345-234985776	0	0	0	1
XLOC_012725	CXCR7	chr2:237478379-237490994	0	0	0	1
XLOC_012727	MLPH	chr2:238395877-238463961	0	0	0	1
XLOC_012728	PRLH	chr2:238475216-238475818	0	0	0	1
XLOC_012735	LOC643387	chr2:239140326-239142985	0	0	0	1
XLOC_012738	TWIST2	chr2:239756672-239832237	0	0	0	1
XLOC_012739	MIR4269	chr2:239969863-240322643	0	0	0	1
XLOC_012740	LOC150935	chr2:240684553-240722356	0	0	0	1
XLOC_012742	MIR149	chr2:241375114-241407495	0	0	0	1
XLOC_012747	AQP12A	chr2:241631261-241637900	0	0	0	1
XLOC_012748	AGXT	chr2:241808161-241818536	0	0	0	1
XLOC_012760	CXXC11	chr2:242811885-242815482	0	0	0	1
XLOC_012766	LOC339822	chr2:779836-864112	0	0	0	1

XLOC_012767	PXDN	chr2:1635658-1748291	0	0	0	1
XLOC_012768	MYT1L	chr2:1792884-2335045	0	0	0	1
XLOC_012772	LOC100505964	chr2:4005244-4021622	0	0	0	1
XLOC_012773	LOC727982	chr2:4675807-4703812	0	0	0	1
XLOC_012774	LINC00487	chr2:6869299-6910442	0	0	0	1
XLOC_012777	LOC339788	chr2:8062555-8116945	0	0	0	1
XLOC_012778	LINC00299	chr2:8147900-8468549	0	0	0	1
XLOC_012784	CYS1	chr2:10196925-10220538	0	0	0	1
XLOC_012785	MIR4261	chr2:10281980-10350942	0	0	0	1
XLOC_012790	FLJ33534	chr2:11239976-11272302	0	0	0	1
XLOC_012793	MIR4429	chr2:11674241-11782912	0	0	0	1
XLOC_012794	NTSR2	chr2:11798303-11810329	0	0	0	1
XLOC_012795	MIR4262	chr2:11977058-11977112	0	0	0	1
XLOC_012796	LOC100506474	chr2:13106907-13147138	0	0	0	1
XLOC_012798	MYCNOS	chr2:16080019-16087129	0	0	0	1
XLOC_012800	RAD51AP2	chr2:17691985-17699706	0	0	0	1
XLOC_012803	OSR1	chr2:19551245-19558372	0	0	0	1
XLOC_012812	APOB	chr2:21224300-21266945	0	0	0	1
XLOC_012823	POMC	chr2:25383721-25391559	0	0	0	1
XLOC_012825	MIR1301	chr2:25455829-25565459	0	0	0	1
XLOC_012836	C2orf53	chr2:27359714-27362332	0	0	0	1
XLOC_012838	SLC30A3	chr2:27477439-27485960	0	0	0	1
XLOC_012853	C2orf71	chr2:29284555-29297127	0	0	0	1
XLOC_012854	ALK	chr2:29415639-30144477	0	0	0	1
XLOC_012855	CAPN13	chr2:30945637-31030311	0	0	0	1
XLOC_012856	GALNT14	chr2:31133330-31361592	0	0	0	1
XLOC_012857	CAPN14	chr2:31395921-31440411	0	0	0	1
XLOC_012859	SRD5A2	chr2:31749655-31806040	0	0	0	1
XLOC_012870	SULT6B1	chr2:37394962-37415690	0	0	0	1
XLOC_012881	CDKL4	chr2:39405687-39456673	0	0	0	1
XLOC_012884	SLC8A1	chr2:40144773-40739575	0	0	0	1
XLOC_012885	C2orf91	chr2:42162507-42180943	0	0	0	1
XLOC_012887	KCNG3	chr2:42669156-42721237	0	0	0	1
XLOC_012888	OXER1	chr2:42989638-42991401	0	0	0	1
XLOC_012889	HAAO	chr2:42994228-43019751	0	0	0	1
XLOC_012892	LOC728819	chr2:43864438-43995126	0	0	0	1
XLOC_012893	ABCG5	chr2:44039610-44065958	0	0	0	1
XLOC_012896	MIR548AD	chr2:44589042-44999731	0	0	0	1
XLOC_012897	SIX2	chr2:45232323-45236542	0	0	0	1
XLOC_012898	UNQ6975	chr2:45401479-45482080	0	0	0	1
XLOC_012903	C2orf61	chr2:47314129-47382517	0	0	0	1
XLOC_012905	KCNK12	chr2:47747914-47797470	0	0	0	1
XLOC_012907	LHCGR	chr2:48757063-49003656	0	0	0	1
XLOC_012908	FSHR	chr2:49189295-49381666	0	0	0	1
XLOC_012911	MIR3682	chr2:53897116-54087170	0	0	0	1
XLOC_012913	TSPYL6	chr2:54342409-54532435	0	0	0	1
XLOC_012921	MIR217	chr2:56210101-56210211	0	0	0	1
XLOC_012922	MIR216A	chr2:56216084-56216194	0	0	0	1
XLOC_012923	MIR216B	chr2:56227848-56227930	0	0	0	1

XLOC_012925	MIR4432	chr2:60614496-60614580	0	0	0	1
XLOC_012927	FLJ16341	chr2:61074894-61108449	0	0	0	1
XLOC_012931	SNORA70B	chr2:61404554-61697849	0	0	0	1
XLOC_012937	DBIL5P2	chr2:63344985-63346677	0	0	0	1
XLOC_012941	LINC00309	chr2:64412212-64432619	0	0	0	1
XLOC_012946	MIR4778	chr2:66585380-66585460	0	0	0	1
XLOC_012947	MEIS1-AS3	chr2:66650474-66660602	0	0	0	1
XLOC_012948	LOC644838	chr2:67350488-67442451	0	0	0	1
XLOC_012952	CNRIP1	chr2:68511302-68547183	0	0	0	1
XLOC_012954	BMP10	chr2:69092612-69098649	0	0	0	1
XLOC_012955	GKN2	chr2:69172363-69180102	0	0	0	1
XLOC_012959	SNORA36C	chr2:69685126-69870977	0	0	0	1
XLOC_012968	FIGLA	chr2:71004441-71017775	0	0	0	1
XLOC_012969	CLEC4F	chr2:71035775-71047732	0	0	0	1
XLOC_012970	CD207	chr2:71057342-71062953	0	0	0	1
XLOC_012980	EGR4	chr2:73518056-73520829	0	0	0	1
XLOC_012981	NAT8	chr2:73867849-73869537	0	0	0	1
XLOC_012982	NAT8B	chr2:73927635-73928467	0	0	0	1
XLOC_013000	EVA1A	chr2:75719443-75796848	0	0	0	1
XLOC_013002	LRRTM4	chr2:76974849-77749502	0	0	0	1
XLOC_013003	SNAR-H	chr2:78182032-78182152	0	0	0	1
XLOC_013004	REG1B	chr2:79312148-79315150	0	0	0	1
XLOC_013005	REG1P	chr2:79362628-79365553	0	0	0	1
XLOC_013007	MIR4264	chr2:79740059-80875988	0	0	0	1
XLOC_013008	LRRTM1	chr2:79740059-80875988	0	0	0	1
XLOC_013023	MIR4779	chr2:86371054-86422893	0	0	0	1
XLOC_013027	CD8B	chr2:87042459-87122165	0	0	0	1
XLOC_013032	MIR4780	chr2:88367298-88412902	0	0	0	1
XLOC_013041	TRIM43B	chr2:96142714-96150479	0	0	0	1
XLOC_013072	CHST10	chr2:101008321-101034130	0	0	0	1
XLOC_013076	CREG2	chr2:101964815-102003965	0	0	0	1
XLOC_013077	RFX8	chr2:102013822-102091165	0	0	0	1
XLOC_013079	LOC100287010	chr2:104995307-105024790	0	0	0	1
XLOC_013080	LOC284998	chr2:105363094-105374177	0	0	0	1
XLOC_013081	LOC100506421	chr2:105421882-105467934	0	0	0	1
XLOC_013084	LOC285000	chr2:106209553-106227016	0	0	0	1
XLOC_013088	LOC729121	chr2:108439519-108442583	0	0	0	1
XLOC_013091	MIR4265	chr2:109743783-110262207	0	0	0	1
XLOC_013092	MIR4266	chr2:109743783-110262207	0	0	0	1
XLOC_013094	MIR4267	chr2:110827537-110827619	0	0	0	1
XLOC_013096	MIR4436B1	chr2:110841446-110874143	0	0	0	1
XLOC_013100	LIMS3	chr2:111160495-111230652	0	0	0	1
XLOC_013101	RGPD5,RGPD6	chr2:111271378-111336309	0	0	0	1
XLOC_013103	MIR4435-1	chr2:112078588-112078668	0	0	0	1
XLOC_013111	IL1B	chr2:113587336-113594356	0	0	0	1
XLOC_013112	IL36B	chr2:113779667-113810440	0	0	0	1
XLOC_013117	MIR4782	chr2:114471932-114514400	0	0	0	1
XLOC_013119	LOC389023	chr2:115199898-116602326	0	0	0	1
XLOC_013124	SCTR	chr2:120197418-120282028	0	0	0	1

XLOC_013126	LOC84931	chr2:121221910-121223925	0	0	0	1
XLOC_013131	CYP27C1	chr2:127941411-127963343	0	0	0	1
XLOC_013134	MIR4783	chr2:128175995-128186822	0	0	0	1
XLOC_013142	LOC389033	chr2:130680434-130691890	0	0	0	1
XLOC_013143	LOC100131320	chr2:130724164-130740311	0	0	0	1
XLOC_013144	LOC440905	chr2:130783571-130808704	0	0	0	1
XLOC_013145	POTEF	chr2:130831107-130886795	0	0	0	1
XLOC_013150	LOC100216479	chr2:131174325-131186119	0	0	0	1
XLOC_013151	LOC646743,TISP	chr2:131294142-131307488	0	0	0	1
XLOC_013152	CFC1,CFC1B	chr2:131349737-131357251	0	0	0	1
XLOC_013155	LOC401010	chr2:132199733-132202467	0	0	0	1
XLOC_013157	MIR4784	chr2:132202795-132360468	0	0	0	1
XLOC_013158	C2orf27B	chr2:132552533-132559234	0	0	0	1
XLOC_013162	NCKAP5	chr2:133429371-134326031	0	0	0	1
XLOC_013165	MAP3K19	chr2:135722272-135782248	0	0	0	1
XLOC_013170	CXCR4	chr2:136871918-136875725	0	0	0	1
XLOC_013171	NXP2	chr2:139426726-139537811	0	0	0	1
XLOC_013172	LRP1B	chr2:140988995-142889270	0	0	0	1
XLOC_013174	ZEB2	chr2:145141941-145278465	0	0	0	1
XLOC_013186	RPRM	chr2:154333851-154335322	0	0	0	1
XLOC_013189	ERMN	chr2:158175124-158184146	0	0	0	1
XLOC_013190	CYTIP	chr2:158271130-158300604	0	0	0	1
XLOC_013197	PLA2R1	chr2:160797259-160919126	0	0	0	1
XLOC_013198	ITGB6	chr2:160958232-161056590	0	0	0	1
XLOC_013200	MIR4785	chr2:161128661-161350318	0	0	0	1
XLOC_013202	DPP4	chr2:162848754-162931052	0	0	0	1
XLOC_013203	GCG	chr2:162999378-163008914	0	0	0	1
XLOC_013206	KCNH7	chr2:163227916-163695257	0	0	0	1
XLOC_013207	FIGN	chr2:164464117-164592513	0	0	0	1
XLOC_013208	GRB14	chr2:165349322-165478360	0	0	0	1
XLOC_013210	SNORA70F	chr2:165541257-165697928	0	0	0	1
XLOC_013211	SLC38A11	chr2:165754708-165812035	0	0	0	1
XLOC_013212	SCN3A	chr2:165944029-166060577	0	0	0	1
XLOC_013216	SCN1A	chr2:166845669-167005642	0	0	0	1
XLOC_013217	SCN9A	chr2:167051696-167232497	0	0	0	1
XLOC_013218	SCN7A	chr2:167260082-167343481	0	0	0	1
XLOC_013222	ABCB11	chr2:169779448-169887833	0	0	0	1
XLOC_013223	LRP2	chr2:169983618-170219122	0	0	0	1
XLOC_013239	CHRNA1	chr2:175612322-175629200	0	0	0	1
XLOC_013242	MIR933	chr2:175936977-176032934	0	0	0	1
XLOC_013245	EVX2	chr2:176944834-176948690	0	0	0	1
XLOC_013248	MIR1246	chr2:177465707-177465780	0	0	0	1
XLOC_013251	MIR3128	chr2:178095030-178129859	0	0	0	1
XLOC_013262	MIR1258	chr2:180306710-180726232	0	0	0	1
XLOC_013264	MIR4437	chr2:182170319-182170379	0	0	0	1
XLOC_013266	NEUROD1	chr2:182540832-182545392	0	0	0	1
XLOC_013267	PDE1A	chr2:183004761-183387572	0	0	0	1
XLOC_013270	ZSWIM2	chr2:187692206-187713897	0	0	0	1
XLOC_013273	DIRC1	chr2:189598464-189654831	0	0	0	1

XLOC_013274	MIR1245B	chr2:189839098-189877472	0	0	0	1
XLOC_013276	MIR3129	chr2:189896640-190044605	0	0	0	1
XLOC_013277	SLC40A1	chr2:190425315-190445537	0	0	0	1
XLOC_013285	SDPR	chr2:192699031-192712006	0	0	0	1
XLOC_013286	TMEFF2	chr2:192814746-193059644	0	0	0	1
XLOC_013308	CFLAR-AS1	chr2:201980876-202037411	0	0	0	1
XLOC_013323	DYTN	chr2:207516344-207583120	0	0	0	1
XLOC_013327	MIR2355	chr2:207938861-208031970	0	0	0	1
XLOC_013331	CRYGD	chr2:208983852-209021486	0	0	0	1
XLOC_013332	CRYGC	chr2:208983852-209021486	0	0	0	1
XLOC_013333	CRYGB	chr2:208983852-209021486	0	0	0	1
XLOC_013334	CRYGA	chr2:209025463-209028297	0	0	0	1
XLOC_013335	C2orf80	chr2:209030070-209054773	0	0	0	1
XLOC_013338	ACADL	chr2:211052715-211090215	0	0	0	1
XLOC_013339	MYL1	chr2:211154867-211179895	0	0	0	1
XLOC_013341	ERBB4	chr2:212240441-213403352	0	0	0	1
XLOC_013342	MIR548F2	chr2:212240441-213403352	0	0	0	1
XLOC_013343	MIR4776-2	chr2:213790980-213791060	0	0	0	1
XLOC_013353	IGFBP5	chr2:217536827-217560272	0	0	0	1
XLOC_013354	TNP1	chr2:217724181-217724782	0	0	0	1
XLOC_013357	CXCR2P1	chr2:218899656-218955304	0	0	0	1
XLOC_013358	CXCR1	chr2:219027567-219031716	0	0	0	1
XLOC_013364	PRKAG3	chr2:219687105-219696512	0	0	0	1
XLOC_013365	FEV	chr2:219845808-219850379	0	0	0	1
XLOC_013366	CRYBA2	chr2:219854911-219858127	0	0	0	1
XLOC_013367	MIR375	chr2:219866366-219866430	0	0	0	1
XLOC_013370	MIR3131	chr2:219919141-219925238	0	0	0	1
XLOC_013379	MIR153-1	chr2:220154344-220174295	0	0	0	1
XLOC_013380	RESP18	chr2:220192130-220197899	0	0	0	1
XLOC_013383	MIR3132	chr2:220408744-220415317	0	0	0	1
XLOC_013385	MIR4268	chr2:220771222-220771286	0	0	0	1
XLOC_013387	PAX3	chr2:223064605-223169936	0	0	0	1
XLOC_013389	SCG2	chr2:224461657-224467217	0	0	0	1
XLOC_013395	DOCK10	chr2:225629806-225907330	0	0	0	1
XLOC_013396	MIR4439	chr2:225629806-225907330	0	0	0	1
XLOC_013397	MIR5702	chr2:227523425-227523509	0	0	0	1
XLOC_013401	C2orf83	chr2:228474805-228498036	0	0	0	1
XLOC_013403	SPHKAP	chr2:228844669-229046361	0	0	0	1
XLOC_013404	PID1	chr2:229888688-230136057	0	0	0	1
XLOC_013405	DNER	chr2:230222344-230579286	0	0	0	1
XLOC_013415	SNORD20	chr2:232319458-232329205	0	0	0	1
XLOC_013416	SNORD82	chr2:232319458-232329205	0	0	0	1
XLOC_013418	NMUR1	chr2:232387870-232395182	0	0	0	1
XLOC_013420	MIR1471	chr2:232756951-232757008	0	0	0	1
XLOC_013421	NPPC	chr2:232786804-232791038	0	0	0	1
XLOC_013422	ECEL1P2	chr2:233250459-233251754	0	0	0	1
XLOC_013423	ECEL1	chr2:233344536-233352532	0	0	0	1
XLOC_013428	DNAJB3	chr2:234526290-234681951	0	0	0	1
XLOC_013429	LOC100286922	chr2:234526290-234681951	0	0	0	1

XLOC_013433	GBX2	chr2:237074306-237076652	0	0	0	1
XLOC_013435	IQCA1	chr2:237232789-237416178	0	0	0	1
XLOC_013439	LOC151174	chr2:239133753-239140318	0	0	0	1
XLOC_013443	FLJ43879	chr2:239840997-239847965	0	0	0	1
XLOC_013445	MIR4440	chr2:239969863-240322643	0	0	0	1
XLOC_013446	MIR4441	chr2:239969863-240322643	0	0	0	1
XLOC_013448	MIR2467	chr2:239969863-240322643	0	0	0	1
XLOC_013449	MIR4786	chr2:240882431-240882511	0	0	0	1
XLOC_013451	OR6B2	chr2:240968907-240969846	0	0	0	1
XLOC_013452	PRR21	chr2:240981229-240982399	0	0	0	1
XLOC_013453	OR6B3	chr2:240984493-240985489	0	0	0	1
XLOC_013455	OTOS	chr2:241078445-241080073	0	0	0	1
XLOC_013458	AQP12B	chr2:241615834-241622317	0	0	0	1
XLOC_013459	KIF1A	chr2:241653180-241759725	0	0	0	1
XLOC_013461	LOC200772	chr2:241894035-241906868	0	0	0	1
XLOC_013470	DEFB125	chr20:68350-77296	0	0	0	1
XLOC_013471	DEFB126	chr20:123251-126392	0	0	0	1
XLOC_013472	DEFB127	chr20:138110-139804	0	0	0	1
XLOC_013473	DEFB129	chr20:207898-210527	0	0	0	1
XLOC_013474	DEFB132	chr20:238376-241736	0	0	0	1
XLOC_013489	TGM6	chr20:2361553-2413399	0	0	0	1
XLOC_013492	SNORD110	chr20:2633177-2639039	0	0	0	1
XLOC_013493	SNORA51	chr20:2633177-2639039	0	0	0	1
XLOC_013494	SNORD56	chr20:2633177-2639039	0	0	0	1
XLOC_013495	SNORD57	chr20:2633177-2639039	0	0	0	1
XLOC_013497	C2orf141	chr20:2795632-2796476	0	0	0	1
XLOC_013498	TMEM239	chr20:2796975-2797804	0	0	0	1
XLOC_013511	MIR103A2	chr20:3869485-3904502	0	0	0	1
XLOC_013515	PRND	chr20:4702555-4709106	0	0	0	1
XLOC_013520	CHGB	chr20:5891973-5906005	0	0	0	1
XLOC_013524	PLCB1	chr20:8113295-8865547	0	0	0	1
XLOC_013526	LAMP5	chr20:9495004-9511171	0	0	0	1
XLOC_013527	ANKEF1	chr20:10004459-10288066	0	0	0	1
XLOC_013531	SPTLC3	chr20:12989626-13147411	0	0	0	1
XLOC_013532	ISM1	chr20:13202417-13281297	0	0	0	1
XLOC_013536	OTOR	chr20:16729002-16732809	0	0	0	1
XLOC_013537	PCSK2	chr20:17206751-17465222	0	0	0	1
XLOC_013539	BANF2	chr20:17674319-17716517	0	0	0	1
XLOC_013543	LINC00851	chr20:18359692-18362127	0	0	0	1
XLOC_013545	MIR3192	chr20:18448032-18465286	0	0	0	1
XLOC_013550	SCP2D1	chr20:18790371-18810839	0	0	0	1
XLOC_013559	LOC100270679	chr20:22034727-22055292	0	0	0	1
XLOC_013560	SSTR4	chr20:23016056-23017314	0	0	0	1
XLOC_013563	CSTL1	chr20:23420321-23425567	0	0	0	1
XLOC_013564	CST8	chr20:23471765-23476655	0	0	0	1
XLOC_013565	CST13P	chr20:23499782-23522655	0	0	0	1
XLOC_013566	FLJ33581	chr20:24180402-24205224	0	0	0	1
XLOC_013567	SYNDIG1	chr20:24449834-24647167	0	0	0	1
XLOC_013575	DEFB115	chr20:29845466-29847435	0	0	0	1

XLOC_013576	DEFB118	chr20:29956420-29961705	0	0	0	1
XLOC_013577	DEFB123	chr20:30028410-30038060	0	0	0	1
XLOC_013578	REM1	chr20:30063104-30072708	0	0	0	1
XLOC_013579	LINC00028	chr20:30073580-30075377	0	0	0	1
XLOC_013583	MIR3193	chr20:30194988-30195043	0	0	0	1
XLOC_013584	COX4I2	chr20:30225690-30232800	0	0	0	1
XLOC_013588	XKR7	chr20:30555804-30586256	0	0	0	1
XLOC_013595	LOC149950	chr20:31175280-31196694	0	0	0	1
XLOC_013598	BPIFB2	chr20:31595383-31611515	0	0	0	1
XLOC_013599	BPIFB6	chr20:31619453-31631853	0	0	0	1
XLOC_013600	BPIFB3	chr20:31643229-31661434	0	0	0	1
XLOC_013601	BPIFB4	chr20:31669317-31699557	0	0	0	1
XLOC_013602	BPIFA2	chr20:31755959-31769223	0	0	0	1
XLOC_013603	BPIFA4P	chr20:31781410-31798268	0	0	0	1
XLOC_013604	BPIFA3	chr20:31805134-31815559	0	0	0	1
XLOC_013605	BPIFA1	chr20:31823801-31831115	0	0	0	1
XLOC_013606	BPIFB1	chr20:31870940-31897684	0	0	0	1
XLOC_013613	MIR4755	chr20:32581457-32670991	0	0	0	1
XLOC_013616	MIR644A	chr20:32951040-33099198	0	0	0	1
XLOC_013622	MIR499A	chr20:33543703-33680618	0	0	0	1
XLOC_013645	BPI	chr20:36932551-36965905	0	0	0	1
XLOC_013646	LBP	chr20:36974813-37005653	0	0	0	1
XLOC_013648	SNORA39	chr20:37075296-37079564	0	0	0	1
XLOC_013649	SNORA60	chr20:37075296-37079564	0	0	0	1
XLOC_013653	SLC32A1	chr20:37353104-37358015	0	0	0	1
XLOC_013655	PPP1R16B	chr20:37434347-37551667	0	0	0	1
XLOC_013669	R3HDML	chr20:42965625-42979875	0	0	0	1
XLOC_013671	MIR3646	chr20:42984440-43061485	0	0	0	1
XLOC_013674	WISP2	chr20:43343884-43356452	0	0	0	1
XLOC_013680	SEMG1	chr20:43835637-43838414	0	0	0	1
XLOC_013681	SEMG2	chr20:43850009-43853099	0	0	0	1
XLOC_013682	RBPJL	chr20:43922086-43946464	0	0	0	1
XLOC_013686	WFDC10A	chr20:44236577-44259907	0	0	0	1
XLOC_013688	SPINT4	chr20:44350987-44354335	0	0	0	1
XLOC_013696	MMP9	chr20:44637546-44645200	0	0	0	1
XLOC_013700	EYA2	chr20:45523262-45817492	0	0	0	1
XLOC_013701	MIR3616	chr20:45523262-45817492	0	0	0	1
XLOC_013702	LOC100131496	chr20:45838380-45985474	0	0	0	1
XLOC_013709	SNORD12C	chr20:47862438-47905795	0	0	0	1
XLOC_013710	SNORD12B	chr20:47862438-47905795	0	0	0	1
XLOC_013711	SNORD12	chr20:47862438-47905795	0	0	0	1
XLOC_013718	MIR645	chr20:49202322-49202416	0	0	0	1
XLOC_013724	DOK5	chr20:53092265-53267710	0	0	0	1
XLOC_013725	MC3R	chr20:54823787-54824871	0	0	0	1
XLOC_013733	SPO11	chr20:55904830-55998278	0	0	0	1
XLOC_013734	MIR5095	chr20:55904830-55998278	0	0	0	1
XLOC_013737	PCK1	chr20:56136136-56141513	0	0	0	1
XLOC_013738	MIR4532	chr20:56470449-56470500	0	0	0	1
XLOC_013739	C20orf85	chr20:56725982-56736183	0	0	0	1

XLOC_013742	APCDD1L-AS1	chr20:57090434-57194948	0	0	0	1
XLOC_013747	ZNF831	chr20:57766074-57834167	0	0	0	1
XLOC_013748	EDN3	chr20:57875498-57901047	0	0	0	1
XLOC_013749	PHACTR3	chr20:58152563-58422766	0	0	0	1
XLOC_013752	C20orf197	chr20:58630979-58648008	0	0	0	1
XLOC_013754	MIR4533	chr20:59053168-59053239	0	0	0	1
XLOC_013762	C20orf166	chr20:61141437-61167971	0	0	0	1
XLOC_013763	MIR1-1	chr20:61141437-61167971	0	0	0	1
XLOC_013772	LOC63930	chr20:61640734-61716423	0	0	0	1
XLOC_013773	LOC100144597	chr20:61640734-61716423	0	0	0	1
XLOC_013774	HAR1A	chr20:61726844-61735737	0	0	0	1
XLOC_013775	MIR124-3	chr20:61809851-61809938	0	0	0	1
XLOC_013777	MIR3196	chr20:61867275-61871854	0	0	0	1
XLOC_013778	FLJ16779	chr20:61872135-61892967	0	0	0	1
XLOC_013780	MIR4326	chr20:61904164-61921142	0	0	0	1
XLOC_013781	COL20A1	chr20:61924537-61962285	0	0	0	1
XLOC_013791	MIR941-1,MIR941	chr20:62526454-62567384	0	0	0	1
XLOC_013792	MIR941-2,MIR941	chr20:62526454-62567384	0	0	0	1
XLOC_013801	DEFB128	chr20:168526-170264	0	0	0	1
XLOC_013807	SCRT2	chr20:642239-656823	0	0	0	1
XLOC_013810	RSPO4	chr20:939095-982907	0	0	0	1
XLOC_013814	SIRPB2	chr20:1455235-1472233	0	0	0	1
XLOC_013815	SIRPD	chr20:1514896-1538343	0	0	0	1
XLOC_013816	SIRPB1	chr20:1545028-1600689	0	0	0	1
XLOC_013817	SIRPG	chr20:1609797-1638425	0	0	0	1
XLOC_013818	LOC100289473	chr20:1754010-1760392	0	0	0	1
XLOC_013819	PDYN	chr20:1959401-1974931	0	0	0	1
XLOC_013821	SNORD119	chr20:2442280-2451499	0	0	0	1
XLOC_013824	CPXM1	chr20:2774714-2781292	0	0	0	1
XLOC_013826	AVP	chr20:3063201-3065370	0	0	0	1
XLOC_013831	C20orf194	chr20:3229947-3388309	0	0	0	1
XLOC_013833	ADAM33	chr20:3648619-3662738	0	0	0	1
XLOC_013838	MIR103B2	chr20:3869485-3904502	0	0	0	1
XLOC_013840	ADRA1D	chr20:4201277-4229659	0	0	0	1
XLOC_013841	PRNT	chr20:4711927-4721314	0	0	0	1
XLOC_013846	PROKR2	chr20:5282685-5295015	0	0	0	1
XLOC_013853	HAO1	chr20:7863630-7921093	0	0	0	1
XLOC_013855	PAK7	chr20:9518036-9819687	0	0	0	1
XLOC_013856	SNAP25-AS1	chr20:10004459-10288066	0	0	0	1
XLOC_013859	LOC339593	chr20:11247306-11254031	0	0	0	1
XLOC_013860	ISM1-AS1	chr20:13202417-13281297	0	0	0	1
XLOC_013863	SEL1L2	chr20:13830043-13975979	0	0	0	1
XLOC_013864	FLRT3	chr20:13976145-16033841	0	0	0	1
XLOC_013865	MACROD2-AS1	chr20:13976145-16033841	0	0	0	1
XLOC_013875	C20orf78	chr20:18790371-18810839	0	0	0	1
XLOC_013876	LOC100130264	chr20:19193289-19703541	0	0	0	1
XLOC_013879	NKX2-4	chr20:21376004-21378047	0	0	0	1
XLOC_013880	NKX2-2	chr20:21491659-21494664	0	0	0	1
XLOC_013881	LOC284788	chr20:22380970-22401281	0	0	0	1

XLOC_013882	LINC00261	chr20:22541191-22559280	0	0	0	1
XLOC_013883	FOXA2	chr20:22561641-22566101	0	0	0	1
XLOC_013884	THBD	chr20:23026269-23030301	0	0	0	1
XLOC_013886	LINC00656	chr20:23105704-23113273	0	0	0	1
XLOC_013888	CST11	chr20:23431040-23433482	0	0	0	1
XLOC_013889	CST9L	chr20:23545369-23549386	0	0	0	1
XLOC_013890	CST9	chr20:23583046-23586610	0	0	0	1
XLOC_013892	CST4	chr20:23666276-23669662	0	0	0	1
XLOC_013893	CST1	chr20:23728189-23731574	0	0	0	1
XLOC_013894	CST2	chr20:23804403-23807312	0	0	0	1
XLOC_013895	CST5	chr20:23856571-23860380	0	0	0	1
XLOC_013899	VSX1	chr20:25051520-25063015	0	0	0	1
XLOC_013900	LOC284798	chr20:25121433-25129426	0	0	0	1
XLOC_013910	DEFB116	chr20:29891014-29896388	0	0	0	1
XLOC_013911	DEFB119	chr20:29964965-29978452	0	0	0	1
XLOC_013912	DEFB121	chr20:29992647-30000641	0	0	0	1
XLOC_013913	DEFB122	chr20:30009241-30016983	0	0	0	1
XLOC_013914	DEFB124	chr20:30053308-30060816	0	0	0	1
XLOC_013917	FOXS1	chr20:30432102-30433420	0	0	0	1
XLOC_013923	C20orf203	chr20:31219426-31239783	0	0	0	1
XLOC_013925	SUN5	chr20:31571580-31592239	0	0	0	1
XLOC_013935	HMGB3P1	chr20:33421377-33422265	0	0	0	1
XLOC_013936	GGT7	chr20:33432522-33460661	0	0	0	1
XLOC_013938	MIR499B	chr20:33543703-33680618	0	0	0	1
XLOC_013945	C20orf173	chr20:34108569-34117481	0	0	0	1
XLOC_013958	GHRH	chr20:35879489-35885299	0	0	0	1
XLOC_013960	LINC00489	chr20:36247699-36251521	0	0	0	1
XLOC_013969	LOC339568	chr20:37842423-37853391	0	0	0	1
XLOC_013974	PTPRT	chr20:40701391-41818557	0	0	0	1
XLOC_013981	LOC79015	chr20:43285091-43300380	0	0	0	1
XLOC_013986	WFDC5	chr20:43738092-43743813	0	0	0	1
XLOC_013987	WFDC12	chr20:43752066-43753106	0	0	0	1
XLOC_013988	SLPI	chr20:43880878-43883206	0	0	0	1
XLOC_013992	SPINT3	chr20:44141100-44144264	0	0	0	1
XLOC_013994	WFDC8	chr20:44179790-44207965	0	0	0	1
XLOC_013995	WFDC9	chr20:44236577-44259907	0	0	0	1
XLOC_013996	WFDC11	chr20:44277201-44298878	0	0	0	1
XLOC_014006	CDH22	chr20:44802371-44937137	0	0	0	1
XLOC_014009	ZNF663	chr20:45085131-45086282	0	0	0	1
XLOC_014010	MKRN7P	chr20:45092298-45093931	0	0	0	1
XLOC_014011	ZNF334	chr20:45128268-45142198	0	0	0	1
XLOC_014012	OCSTAMP	chr20:45169669-45179213	0	0	0	1
XLOC_014019	KCNB1	chr20:47988504-48099181	0	0	0	1
XLOC_014023	LINC00651	chr20:48657243-48658166	0	0	0	1
XLOC_014030	MIR3194	chr20:50003493-50179370	0	0	0	1
XLOC_014035	SUMO1P1	chr20:52491039-52492248	0	0	0	1
XLOC_014037	MIR4756	chr20:52560078-52687304	0	0	0	1
XLOC_014039	CBLN4	chr20:54572412-54580528	0	0	0	1
XLOC_014042	BMP7	chr20:55743808-55841707	0	0	0	1

XLOC_014043	MIR4325	chr20:55896557-55896647	0	0	0	1
XLOC_014045	CTCFL	chr20:56071020-56100708	0	0	0	1
XLOC_014046	ZBP1	chr20:56178901-56195632	0	0	0	1
XLOC_014049	APCDD1L	chr20:57034425-57089949	0	0	0	1
XLOC_014050	MIR296	chr20:57392669-57392749	0	0	0	1
XLOC_014051	MIR298	chr20:57393280-57393368	0	0	0	1
XLOC_014052	GNAS-AS1	chr20:57393972-57486250	0	0	0	1
XLOC_014055	LOC100506384	chr20:58152563-58422766	0	0	0	1
XLOC_014058	MIR1257	chr20:60528601-60528718	0	0	0	1
XLOC_014064	RBBP8NL	chr20:60985292-61002629	0	0	0	1
XLOC_014066	C20orf166-AS1	chr20:61141437-61167971	0	0	0	1
XLOC_014071	BHLHE23	chr20:61637330-61638387	0	0	0	1
XLOC_014072	LINC00029	chr20:61640734-61716423	0	0	0	1
XLOC_014073	HAR1B	chr20:61726844-61735737	0	0	0	1
XLOC_014075	NKAIN4	chr20:61872135-61892967	0	0	0	1
XLOC_014076	CHRNA4	chr20:61974661-61992748	0	0	0	1
XLOC_014087	MIR1914	chr20:62571181-62601223	0	0	0	1
XLOC_014088	MIR647	chr20:62571181-62601223	0	0	0	1
XLOC_014091	SOX18	chr20:62679078-62680979	0	0	0	1
XLOC_014093	C20orf201	chr20:62711470-62731996	0	0	0	1
XLOC_014094	NPBWR2	chr20:62737182-62738184	0	0	0	1
XLOC_014096	MIR3687	chr21:9826202-9826263	0	0	0	1
XLOC_014098	POTED	chr21:14982497-15013906	0	0	0	1
XLOC_014099	RBM11	chr21:15588465-15600693	0	0	0	1
XLOC_014100	ABCC13	chr21:15646119-15673692	0	0	0	1
XLOC_014101	SAMSN1-AS1	chr21:15857548-16015428	0	0	0	1
XLOC_014103	LINC00478	chr21:17442841-17982094	0	0	0	1
XLOC_014104	MIR99A	chr21:17442841-17982094	0	0	0	1
XLOC_014105	MIRLET7C	chr21:17442841-17982094	0	0	0	1
XLOC_014106	MIR125B2	chr21:17442841-17982094	0	0	0	1
XLOC_014107	C21orf37	chr21:18811207-18821503	0	0	0	1
XLOC_014110	NCAM2	chr21:22370632-22912517	0	0	0	1
XLOC_014111	RNU6-67	chr21:22370632-22912517	0	0	0	1
XLOC_014112	LINC00308	chr21:23470935-23488847	0	0	0	1
XLOC_014113	LOC339622	chr21:26212863-26430056	0	0	0	1
XLOC_014117	MIR4759	chr21:28290230-28339439	0	0	0	1
XLOC_014118	LINC00113	chr21:28659821-29283529	0	0	0	1
XLOC_014119	LINC00314	chr21:29385681-29395528	0	0	0	1
XLOC_014126	GRIK1-AS1	chr21:30909253-31312282	0	0	0	1
XLOC_014127	KRTAP13-1	chr21:31768391-31769138	0	0	0	1
XLOC_014128	KRTAP13-4	chr21:31802593-31803076	0	0	0	1
XLOC_014129	KRTAP15-1	chr21:31812645-31813098	0	0	0	1
XLOC_014130	KRTAP6-3	chr21:31964758-31965374	0	0	0	1
XLOC_014131	KRTAP22-1	chr21:31973439-31973586	0	0	0	1
XLOC_014132	KRTAP20-1	chr21:31988773-31988944	0	0	0	1
XLOC_014133	KRTAP20-4	chr21:31992945-31993169	0	0	0	1
XLOC_014134	KRTAP20-2	chr21:32007582-32007780	0	0	0	1
XLOC_014135	KRTAP20-3	chr21:32015182-32015455	0	0	0	1
XLOC_014143	OLIG2	chr21:34398215-34401503	0	0	0	1

XLOC_014144	OLIG1	chr21:34442449-34444728	0	0	0	1
XLOC_014156	CLIC6	chr21:36041687-36090519	0	0	0	1
XLOC_014158	MIR802	chr21:37093012-37093106	0	0	0	1
XLOC_014169	DSCR8	chr21:39493544-39528605	0	0	0	1
XLOC_014170	DSCR10	chr21:39578249-39580738	0	0	0	1
XLOC_014171	KCNJ15	chr21:39601836-39673746	0	0	0	1
XLOC_014173	BRWD1-AS1	chr21:40687632-40695144	0	0	0	1
XLOC_014179	DSCAM-AS1	chr21:41384342-42219039	0	0	0	1
XLOC_014180	MIR3197	chr21:42539483-42539556	0	0	0	1
XLOC_014185	LINC00111	chr21:43099461-43117496	0	0	0	1
XLOC_014186	LINC00112	chr21:43136595-43137742	0	0	0	1
XLOC_014188	UMODL1	chr21:43483067-43563105	0	0	0	1
XLOC_014190	UBASH3A	chr21:43823970-43867790	0	0	0	1
XLOC_014192	PDE9A	chr21:44073861-44195618	0	0	0	1
XLOC_014195	CRYAA	chr21:44589140-44592913	0	0	0	1
XLOC_014204	AIRE	chr21:45705720-45718102	0	0	0	1
XLOC_014206	TRPM2	chr21:45773483-45862964	0	0	0	1
XLOC_014209	KRTAP10-4	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014210	KRTAP10-7	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014211	KRTAP10-8	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014212	KRTAP10-9	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014213	KRTAP10-10	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014214	KRTAP10-11	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014215	KRTAP12-3	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014216	KRTAP10-12	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014232	TPTE	chr21:10906742-10990920	0	0	0	1
XLOC_014233	BAGE,BAGE3,BA	chr21:11020841-11098937	0	0	0	1
XLOC_014234	MIR3156-3	chr21:14778704-14778781	0	0	0	1
XLOC_014236	ANKRD20A11P	chr21:15316095-15352765	0	0	0	1
XLOC_014237	LIPI	chr21:15481134-15579254	0	0	0	1
XLOC_014239	SAMSN1	chr21:15857548-16015428	0	0	0	1
XLOC_014240	LOC388813	chr21:15857548-16015428	0	0	0	1
XLOC_014244	CHODL-AS1	chr21:19207988-19257925	0	0	0	1
XLOC_014245	TMPRSS15	chr21:19641432-19775970	0	0	0	1
XLOC_014246	LINC00320	chr21:22114912-22175426	0	0	0	1
XLOC_014247	LINC00317	chr21:23095612-23109639	0	0	0	1
XLOC_014248	D21S2088E	chr21:24733425-24757156	0	0	0	1
XLOC_014249	LINC00158	chr21:26758132-26804013	0	0	0	1
XLOC_014254	CYYR1	chr21:27838527-27945581	0	0	0	1
XLOC_014255	ADAMTS1	chr21:28208605-28217728	0	0	0	1
XLOC_014257	MIR5009	chr21:28659821-29283529	0	0	0	1
XLOC_014263	CLDN17	chr21:31538240-31538971	0	0	0	1
XLOC_014264	LINC00307	chr21:31581468-31584101	0	0	0	1
XLOC_014265	CLDN8	chr21:31586323-31588469	0	0	0	1
XLOC_014266	KRTAP24-1	chr21:31653626-31655276	0	0	0	1
XLOC_014267	KRTAP25-1	chr21:31661462-31661832	0	0	0	1
XLOC_014268	KRTAP26-1	chr21:31691449-31692607	0	0	0	1
XLOC_014269	KRTAP27-1	chr21:31709330-31710012	0	0	0	1
XLOC_014270	KRTAP23-1	chr21:31720716-31720924	0	0	0	1

XLOC_014271	KRTAP13-2	chr21:31743708-31744557	0	0	0	1
XLOC_014272	MIR4327	chr21:31747611-31747696	0	0	0	1
XLOC_014273	KRTAP13-3	chr21:31797710-31798230	0	0	0	1
XLOC_014274	KRTAP19-1	chr21:31852363-31852636	0	0	0	1
XLOC_014275	KRTAP19-2	chr21:31859508-31859667	0	0	0	1
XLOC_014276	KRTAP19-3	chr21:31863781-31864275	0	0	0	1
XLOC_014277	KRTAP19-4	chr21:31869173-31869428	0	0	0	1
XLOC_014278	KRTAP19-5	chr21:31874189-31874408	0	0	0	1
XLOC_014279	KRTAP19-6	chr21:31913853-31914181	0	0	0	1
XLOC_014280	KRTAP19-7	chr21:31933416-31933608	0	0	0	1
XLOC_014281	KRTAP22-2	chr21:31962423-31962716	0	0	0	1
XLOC_014282	KRTAP6-2	chr21:31971004-31971193	0	0	0	1
XLOC_014283	KRTAP6-1	chr21:31986004-31986223	0	0	0	1
XLOC_014284	KRTAP21-3	chr21:32090842-32091095	0	0	0	1
XLOC_014285	KRTAP21-2	chr21:32119268-32119520	0	0	0	1
XLOC_014286	KRTAP21-1	chr21:32127456-32127696	0	0	0	1
XLOC_014287	KRTAP8-1	chr21:32185014-32185570	0	0	0	1
XLOC_014288	KRTAP7-1	chr21:32201357-32202051	0	0	0	1
XLOC_014289	KRTAP11-1	chr21:32252963-32253874	0	0	0	1
XLOC_014290	KRTAP19-8	chr21:32410477-32410795	0	0	0	1
XLOC_014293	LINC00159	chr21:33452793-33458608	0	0	0	1
XLOC_014302	C21orf54	chr21:34537775-34542541	0	0	0	1
XLOC_014312	LINC00160	chr21:36096104-36109479	0	0	0	1
XLOC_014314	RUNX1-IT1	chr21:36160097-36421595	0	0	0	1
XLOC_014315	LOC100506403	chr21:36744804-36953062	0	0	0	1
XLOC_014323	KCNJ6	chr21:38996784-39288741	0	0	0	1
XLOC_014324	DSCR4	chr21:39426312-39493454	0	0	0	1
XLOC_014325	ERG	chr21:39739182-40033704	0	0	0	1
XLOC_014326	LINC00114	chr21:40110878-40145401	0	0	0	1
XLOC_014332	C21orf88	chr21:40969074-40984749	0	0	0	1
XLOC_014333	DSCAM	chr21:41384342-42219039	0	0	0	1
XLOC_014334	MIR4760	chr21:41384342-42219039	0	0	0	1
XLOC_014335	DSCAM-IT1	chr21:41384342-42219039	0	0	0	1
XLOC_014336	LINC00323	chr21:42513426-42519991	0	0	0	1
XLOC_014338	TMPRSS2	chr21:42836477-42880085	0	0	0	1
XLOC_014339	LINC00479	chr21:43131679-43135935	0	0	0	1
XLOC_014344	C21orf128	chr21:43483067-43563105	0	0	0	1
XLOC_014345	TFF3	chr21:43731776-43735706	0	0	0	1
XLOC_014346	TFF2	chr21:43766466-43771208	0	0	0	1
XLOC_014347	TFF1	chr21:43782390-43786644	0	0	0	1
XLOC_014348	TMPRSS3	chr21:43791995-43816955	0	0	0	1
XLOC_014351	CBS	chr21:44473300-44496472	0	0	0	1
XLOC_014363	KRTAP10-1	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014364	KRTAP10-2	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014365	KRTAP10-3	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014366	KRTAP10-5	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014367	KRTAP10-6	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014368	KRTAP12-4	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014369	KRTAP12-2	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1

XLOC_014370	KRTAP12-1	chr21:45917774-46131495	0	0	0	1
XLOC_014374	ITGB2	chr21:46305867-46349595	0	0	0	1
XLOC_014377	LINC00162	chr21:46419126-46424642	0	0	0	1
XLOC_014380	COL18A1-AS2	chr21:46825096-46933634	0	0	0	1
XLOC_014383	LOC100129027	chr21:47247754-47256333	0	0	0	1
XLOC_014389	S100B	chr21:48018530-48025035	0	0	0	1
XLOC_014391	TPTEP1	chr22:17082800-17129720	0	0	0	1
XLOC_014392	HSFY1P1	chr22:17308363-17310225	0	0	0	1
XLOC_014399	FLJ41941	chr22:18512150-18520734	0	0	0	1
XLOC_014414	MIR185	chr22:20008630-20053447	0	0	0	1
XLOC_014423	POM121L4P	chr22:21043842-21046009	0	0	0	1
XLOC_014425	SERPIND1	chr22:21061978-21213100	0	0	0	1
XLOC_014432	LOC400891	chr22:21400248-21418457	0	0	0	1
XLOC_014441	MIR301B	chr22:22007269-22007347	0	0	0	1
XLOC_014442	MIR130B	chr22:22007592-22007674	0	0	0	1
XLOC_014444	VPREB1	chr22:22599199-22599926	0	0	0	1
XLOC_014448	MIR650	chr22:23165269-23165365	0	0	0	1
XLOC_014449	IGLL5	chr22:23229959-23238013	0	0	0	1
XLOC_014455	C22orf15	chr22:24105207-24110141	0	0	0	1
XLOC_014480	MYO18B	chr22:26138119-26427007	0	0	0	1
XLOC_014481	SEZ6L	chr22:26565439-26779563	0	0	0	1
XLOC_014487	MIR3199-2	chr22:28315363-29075853	0	0	0	1
XLOC_014501	HORMAD2	chr22:30476452-30573062	0	0	0	1
XLOC_014508	MIR3200	chr22:31090792-31303811	0	0	0	1
XLOC_014520	AP1B1P1	chr22:32517963-32529456	0	0	0	1
XLOC_014521	RFPL3	chr22:32750871-32767063	0	0	0	1
XLOC_014524	TIMP3	chr22:32908539-33454377	0	0	0	1
XLOC_014529	MIR3909	chr22:35695267-35743987	0	0	0	1
XLOC_014534	APOL5	chr22:36113918-36125529	0	0	0	1
XLOC_014538	LOC100506241	chr22:37361288-37364213	0	0	0	1
XLOC_014541	CYTH4	chr22:37678494-37711389	0	0	0	1
XLOC_014555	MIR4534	chr22:38384800-38384860	0	0	0	1
XLOC_014568	SYNGR1	chr22:39745953-39781593	0	0	0	1
XLOC_014580	MCHR1	chr22:41075181-41078818	0	0	0	1
XLOC_014583	MIR1281	chr22:41488516-41488570	0	0	0	1
XLOC_014595	MIR33A	chr22:42229105-42302375	0	0	0	1
XLOC_014608	MPPED1	chr22:43808019-43902800	0	0	0	1
XLOC_014609	EFCAB6-AS1	chr22:43912133-44208217	0	0	0	1
XLOC_014614	LINC00207	chr22:44965219-44968329	0	0	0	1
XLOC_014617	UPK3A	chr22:45680867-45691755	0	0	0	1
XLOC_014619	RIBC2	chr22:45809571-45828302	0	0	0	1
XLOC_014620	FBLN1	chr22:45898718-45997014	0	0	0	1
XLOC_014622	MIR4762	chr22:46067677-46241187	0	0	0	1
XLOC_014626	MIR3619	chr22:46481876-46509808	0	0	0	1
XLOC_014633	MIR3201	chr22:48670175-48670227	0	0	0	1
XLOC_014634	FAM19A5	chr22:48885287-49147744	0	0	0	1
XLOC_014635	MIR4535	chr22:49176106-49176165	0	0	0	1
XLOC_014636	LOC100128946	chr22:49262581-49294198	0	0	0	1
XLOC_014641	PANX2	chr22:50609159-50618724	0	0	0	1

XLOC_014645	ADM2	chr22:50919984-50924866	0	0	0	1
XLOC_014646	MIOX	chr22:50925212-50928750	0	0	0	1
XLOC_014654	POTEH	chr22:16256331-16287937	0	0	0	1
XLOC_014655	OR11H1	chr22:16448823-16449804	0	0	0	1
XLOC_014656	CCT8L2	chr22:17071647-17073700	0	0	0	1
XLOC_014657	ANKRD62P1-PAR	chr22:17134598-17156430	0	0	0	1
XLOC_014658	XKR3	chr22:17264305-17302584	0	0	0	1
XLOC_014659	GAB4	chr22:17442826-17489112	0	0	0	1
XLOC_014663	CECR3	chr22:17737749-17747623	0	0	0	1
XLOC_014666	MIR3198-1	chr22:18216905-18257431	0	0	0	1
XLOC_014668	MIR648	chr22:18270415-18507325	0	0	0	1
XLOC_014673	GSC2	chr22:19136503-19137796	0	0	0	1
XLOC_014680	LOC150185	chr22:19553652-19554362	0	0	0	1
XLOC_014686	LOC284865	chr22:20186252-20192441	0	0	0	1
XLOC_014688	MIR1286	chr22:20228937-20255816	0	0	0	1
XLOC_014696	TUBA3FP	chr22:21354060-21368576	0	0	0	1
XLOC_014697	SLC7A4	chr22:21383006-21386847	0	0	0	1
XLOC_014698	P2RX6P	chr22:21396680-21398538	0	0	0	1
XLOC_014706	ZNF280B	chr22:22838771-22863505	0	0	0	1
XLOC_014707	ZNF280A	chr22:22868060-22874613	0	0	0	1
XLOC_014709	POM121L1P	chr22:22974027-22987012	0	0	0	1
XLOC_014711	CES5AP1	chr22:23701792-23724313	0	0	0	1
XLOC_014713	IGLL1	chr22:23915312-23922495	0	0	0	1
XLOC_014725	GSTTP2	chr22:24385937-24401899	0	0	0	1
XLOC_014726	GGT5	chr22:24615621-24641110	0	0	0	1
XLOC_014731	PIWIL3	chr22:25115000-25170687	0	0	0	1
XLOC_014732	TMEM211	chr22:25331207-25335314	0	0	0	1
XLOC_014738	MIR548J	chr22:26921713-26986089	0	0	0	1
XLOC_014739	CRYBB1	chr22:26995361-27013991	0	0	0	1
XLOC_014742	MIR3199-1	chr22:28315363-29075853	0	0	0	1
XLOC_014747	C22orf31	chr22:29454659-29457907	0	0	0	1
XLOC_014751	MIR3653	chr22:29723668-29784572	0	0	0	1
XLOC_014767	SEC14L6	chr22:30920916-30942669	0	0	0	1
XLOC_014774	MIR3928	chr22:31556047-31556105	0	0	0	1
XLOC_014781	C22orf42	chr22:32545518-32555243	0	0	0	1
XLOC_014786	BPIFC	chr22:32809833-32853373	0	0	0	1
XLOC_014789	MIR4764	chr22:33669061-34316416	0	0	0	1
XLOC_014790	MB	chr22:36002810-36019401	0	0	0	1
XLOC_014792	APOL3	chr22:36536370-36562225	0	0	0	1
XLOC_014799	CACNG2	chr22:36956915-37098690	0	0	0	1
XLOC_014801	PVALB	chr22:37196744-37215517	0	0	0	1
XLOC_014802	TEX33	chr22:37387159-37403877	0	0	0	1
XLOC_014805	IL2RB	chr22:37521879-37545962	0	0	0	1
XLOC_014807	SSTR3	chr22:37602244-37608353	0	0	0	1
XLOC_014809	ELFN2	chr22:37763999-37823505	0	0	0	1
XLOC_014812	LGALS2	chr22:37966252-37976024	0	0	0	1
XLOC_014814	MIR659	chr22:38243684-38243781	0	0	0	1
XLOC_014816	SOX10	chr22:38368318-38380539	0	0	0	1
XLOC_014837	RNU86	chr22:39708886-39715670	0	0	0	1

XLOC_014838	SNORD43	chr22:39708886-39715670	0	0	0	1
XLOC_014840	ENTHD1	chr22:40139048-40289794	0	0	0	1
XLOC_014843	MIR4766	chr22:41165638-41215392	0	0	0	1
XLOC_014854	SHISA8	chr22:42305557-42310671	0	0	0	1
XLOC_014867	ATP5L2	chr22:43013845-43045405	0	0	0	1
XLOC_014876	SULT4A1	chr22:44220386-44258378	0	0	0	1
XLOC_014877	PNPLA5	chr22:44275557-44287893	0	0	0	1
XLOC_014880	LINC00229	chr22:45002207-45021299	0	0	0	1
XLOC_014881	PHF21B	chr22:45277042-45405809	0	0	0	1
XLOC_014884	MIR1249	chr22:45588122-45636650	0	0	0	1
XLOC_014894	FLJ46257	chr22:48016791-48027318	0	0	0	1
XLOC_014895	LOC284933	chr22:48885287-49147744	0	0	0	1
XLOC_014896	C22orf34	chr22:50013289-50051190	0	0	0	1
XLOC_014899	IL17REL	chr22:50432941-50451055	0	0	0	1
XLOC_014915	CHL1	chr3:238278-451097	0	0	0	1
XLOC_014916	CNTN6	chr3:1134628-1445278	0	0	0	1
XLOC_014919	LRRN1	chr3:3841120-3889387	0	0	0	1
XLOC_014925	GRM7	chr3:6902801-7783218	0	0	0	1
XLOC_014927	LINC00312	chr3:8613467-8616354	0	0	0	1
XLOC_014928	CAV3	chr3:8775485-8788451	0	0	0	1
XLOC_014947	SLC6A11	chr3:10857916-10980146	0	0	0	1
XLOC_014948	SLC6A1	chr3:11034419-11080935	0	0	0	1
XLOC_014951	SYN2	chr3:12045861-12233532	0	0	0	1
XLOC_014952	PPARG	chr3:12329348-12475855	0	0	0	1
XLOC_014959	FGD5P1	chr3:13974552-13978444	0	0	0	1
XLOC_014960	TPRXL	chr3:13978806-14107481	0	0	0	1
XLOC_014966	FGD5	chr3:14860468-14976072	0	0	0	1
XLOC_014972	MIR563	chr3:15915277-15915356	0	0	0	1
XLOC_014976	LOC339862	chr3:18004063-18310410	0	0	0	1
XLOC_014981	VENTXP7	chr3:21447217-21448177	0	0	0	1
XLOC_014982	UBE2E2	chr3:23244783-23648882	0	0	0	1
XLOC_014983	MIR548AC	chr3:23244783-23648882	0	0	0	1
XLOC_014987	THRB-AS1	chr3:24158644-24541502	0	0	0	1
XLOC_014990	LRR3B	chr3:26664299-26752265	0	0	0	1
XLOC_014993	LINC00693	chr3:28616768-28799828	0	0	0	1
XLOC_014997	OSBPL10-AS1	chr3:31702316-32033228	0	0	0	1
XLOC_015003	TRIM71	chr3:32859509-32933771	0	0	0	1
XLOC_015004	CCR4	chr3:32993065-32996403	0	0	0	1
XLOC_015008	ARPP21	chr3:35680665-35835988	0	0	0	1
XLOC_015009	MIR128-2	chr3:35680665-35835988	0	0	0	1
XLOC_015010	STAC	chr3:36422096-36589496	0	0	0	1
XLOC_015011	MLH1	chr3:37034840-37092337	0	0	0	1
XLOC_015016	MIR26A1	chr3:37903668-38025960	0	0	0	1
XLOC_015028	CCR8	chr3:39371196-39375171	0	0	0	1
XLOC_015036	ENTPD3	chr3:40428672-40494799	0	0	0	1
XLOC_015047	KLHL40	chr3:42727010-42733938	0	0	0	1
XLOC_015048	CCDC13-AS1	chr3:42749873-42814745	0	0	0	1
XLOC_015051	KRBOX1	chr3:42977833-42984283	0	0	0	1
XLOC_015055	MIR138-1	chr3:44155703-44155802	0	0	0	1

XLOC_015056	TOPAZ1	chr3:44283377-44373590	0	0	0	1
XLOC_015074	CCR3	chr3:46283871-46308197	0	0	0	1
XLOC_015075	CCR2	chr3:46395234-46402413	0	0	0	1
XLOC_015076	CCR5	chr3:46411632-46417697	0	0	0	1
XLOC_015078	RTP3	chr3:46539484-46542439	0	0	0	1
XLOC_015079	LRRC2-AS1	chr3:46556877-46608040	0	0	0	1
XLOC_015080	TDGF1	chr3:46616044-46623952	0	0	0	1
XLOC_015081	LOC100132146	chr3:46653924-46668033	0	0	0	1
XLOC_015090	MIR1226	chr3:47844398-47891686	0	0	0	1
XLOC_015091	MIR4443	chr3:48238053-48238106	0	0	0	1
XLOC_015092	CAMP	chr3:48264836-48266981	0	0	0	1
XLOC_015103	MIR4271	chr3:49306029-49314508	0	0	0	1
XLOC_015114	SLC38A3	chr3:50242691-50258406	0	0	0	1
XLOC_015121	MIR4787	chr3:50712510-50712594	0	0	0	1
XLOC_015129	IQCF3	chr3:51860898-51864874	0	0	0	1
XLOC_015130	IQCF2	chr3:51895644-51897440	0	0	0	1
XLOC_015143	SNORD19	chr3:52719935-52742197	0	0	0	1
XLOC_015144	SNORD19B	chr3:52719935-52742197	0	0	0	1
XLOC_015145	SNORD69	chr3:52719935-52742197	0	0	0	1
XLOC_015148	ITIH3	chr3:52828783-52843025	0	0	0	1
XLOC_015152	CACNA2D3	chr3:54156692-55108584	0	0	0	1
XLOC_015154	ARHGFEF3-AS1	chr3:56761445-57113336	0	0	0	1
XLOC_015166	LINC00698	chr3:63088363-63110737	0	0	0	1
XLOC_015167	SYNPR	chr3:63263913-63602597	0	0	0	1
XLOC_015168	SNTN	chr3:63638343-63650891	0	0	0	1
XLOC_015172	PRICKLE2-AS1	chr3:64053639-64211131	0	0	0	1
XLOC_015173	PRICKLE2-AS2	chr3:64053639-64211131	0	0	0	1
XLOC_015175	ADAMTS9-AS2	chr3:64501330-64997143	0	0	0	1
XLOC_015176	MIR548A2	chr3:64501330-64997143	0	0	0	1
XLOC_015177	MAGI1-AS1	chr3:65339905-66024509	0	0	0	1
XLOC_015180	MIR4272	chr3:67275887-67275951	0	0	0	1
XLOC_015184	GPR27	chr3:71728439-71804328	0	0	0	1
XLOC_015185	LOC201617	chr3:72200407-72223490	0	0	0	1
XLOC_015189	MIR4444-1	chr3:75263626-75263699	0	0	0	1
XLOC_015190	MIR1324	chr3:75679913-75680009	0	0	0	1
XLOC_015193	MIR4273	chr3:75786028-75834255	0	0	0	1
XLOC_015195	CADM2	chr3:85008132-86123579	0	0	0	1
XLOC_015196	MIR5688	chr3:85008132-86123579	0	0	0	1
XLOC_015198	HTR1F	chr3:88031725-88042919	0	0	0	1
XLOC_015204	LOC255025	chr3:94657106-94710169	0	0	0	1
XLOC_015205	EPHA6	chr3:96533424-97467786	0	0	0	1
XLOC_015208	OR5AC2	chr3:97806016-97806946	0	0	0	1
XLOC_015209	OR5H1	chr3:97851541-97852483	0	0	0	1
XLOC_015210	OR5H14	chr3:97868229-97869162	0	0	0	1
XLOC_015211	OR5H15	chr3:97887543-97888485	0	0	0	1
XLOC_015212	OR5H6	chr3:97983128-97984106	0	0	0	1
XLOC_015213	OR5H2	chr3:98001731-98002676	0	0	0	1
XLOC_015214	OR5K4	chr3:98072697-98073663	0	0	0	1
XLOC_015215	OR5K3	chr3:98109509-98110475	0	0	0	1

XLOC_015216	OR5K1	chr3:98188420-98189372	0	0	0	1
XLOC_015218	GPR15	chr3:98250742-98251994	0	0	0	1
XLOC_015220	COL8A1	chr3:99273152-99897476	0	0	0	1
XLOC_015240	CCDC54	chr3:107096187-107097481	0	0	0	1
XLOC_015245	TRAT1	chr3:108541630-108573714	0	0	0	1
XLOC_015246	FLJ22763	chr3:108855560-108868951	0	0	0	1
XLOC_015247	LINC00488	chr3:108897011-108904108	0	0	0	1
XLOC_015248	FLJ25363	chr3:109128836-109214014	0	0	0	1
XLOC_015254	TMPRSS7	chr3:111758464-111800116	0	0	0	1
XLOC_015256	MIR567	chr3:111805181-111837073	0	0	0	1
XLOC_015260	BOC	chr3:112931374-113160361	0	0	0	1
XLOC_015261	WDR52-AS1	chr3:112931374-113160361	0	0	0	1
XLOC_015263	MIR4446	chr3:113251217-113348422	0	0	0	1
XLOC_015269	ZBTB20-AS1	chr3:114056946-114866127	0	0	0	1
XLOC_015270	GAP43	chr3:115342150-115440334	0	0	0	1
XLOC_015271	LSAMP-AS3	chr3:116428634-116435887	0	0	0	1
XLOC_015272	IGSF11-AS1	chr3:118619478-118864898	0	0	0	1
XLOC_015273	C3orf30	chr3:118864996-118870302	0	0	0	1
XLOC_015274	UPK1B	chr3:118892424-118924000	0	0	0	1
XLOC_015280	MAATS1	chr3:119421868-119485949	0	0	0	1
XLOC_015289	CD86	chr3:121774208-121839988	0	0	0	1
XLOC_015290	CASR	chr3:121902529-122005344	0	0	0	1
XLOC_015294	PARP15	chr3:122296448-122355536	0	0	0	1
XLOC_015302	MIR5002	chr3:123813557-124440036	0	0	0	1
XLOC_015305	ROPN1B	chr3:125688027-125702296	0	0	0	1
XLOC_015306	ALDH1L1-AS1	chr3:125822403-125929011	0	0	0	1
XLOC_015307	ALDH1L1-AS2	chr3:125822403-125929011	0	0	0	1
XLOC_015310	NUP210P1	chr3:126380923-126390782	0	0	0	1
XLOC_015319	DNAJB8-AS1	chr3:128181274-128191160	0	0	0	1
XLOC_015320	LOC90246	chr3:128226677-128229429	0	0	0	1
XLOC_015323	EFCC1	chr3:128720471-128759585	0	0	0	1
XLOC_015324	GP9	chr3:128779644-128781253	0	0	0	1
XLOC_015329	RHO	chr3:129247481-129254187	0	0	0	1
XLOC_015330	H1FOO	chr3:129262056-129270204	0	0	0	1
XLOC_015332	TRH	chr3:129693113-129696779	0	0	0	1
XLOC_015335	COL6A5	chr3:130064358-130203688	0	0	0	1
XLOC_015341	ACPP	chr3:132036210-132087146	0	0	0	1
XLOC_015345	NPHP3-AS1	chr3:132276981-132593050	0	0	0	1
XLOC_015346	TMEM108	chr3:132757170-133116619	0	0	0	1
XLOC_015347	BFSP2	chr3:133118789-133194056	0	0	0	1
XLOC_015351	MIR4788	chr3:134156668-134156748	0	0	0	1
XLOC_015356	SLC35G2	chr3:136537860-136574734	0	0	0	1
XLOC_015359	SOX14	chr3:137483133-137485172	0	0	0	1
XLOC_015363	ESYT3	chr3:138153414-138197256	0	0	0	1
XLOC_015366	BPESC1	chr3:138823026-138844005	0	0	0	1
XLOC_015368	CLSTN2	chr3:139654026-140286919	0	0	0	1
XLOC_015369	TRIM42	chr3:140396865-140419992	0	0	0	1
XLOC_015371	SPSB4	chr3:140770742-140867453	0	0	0	1
XLOC_015376	GRK7	chr3:141497042-141535892	0	0	0	1

XLOC_015380	LOC100507389	chr3:142645516-142661378	0	0	0	1
XLOC_015382	CHST2	chr3:142838617-142842856	0	0	0	1
XLOC_015383	SLC9A9-AS1	chr3:142984063-143567373	0	0	0	1
XLOC_015385	ZIC1	chr3:147127180-147134506	0	0	0	1
XLOC_015386	AGTR1	chr3:148415657-148460790	0	0	0	1
XLOC_015387	CPB1	chr3:148545587-148577972	0	0	0	1
XLOC_015388	CPA3	chr3:148583042-148614872	0	0	0	1
XLOC_015390	HLTF-AS1	chr3:148747903-148820610	0	0	0	1
XLOC_015392	TM4SF4	chr3:149192367-149221181	0	0	0	1
XLOC_015399	CLRN1-AS1	chr3:150643949-150797617	0	0	0	1
XLOC_015400	MED12L	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_015401	MIR548H2	chr3:151347319-151546276	0	0	0	1
XLOC_015402	AADACL2	chr3:151347319-151546276	0	0	0	1
XLOC_015403	LOC201651	chr3:151347319-151546276	0	0	0	1
XLOC_015405	SUCNR1	chr3:151591430-151599876	0	0	0	1
XLOC_015411	MME	chr3:154797435-154901518	0	0	0	1
XLOC_015416	LOC100498859	chr3:156799455-156840791	0	0	0	1
XLOC_015418	C3orf55	chr3:157261132-157319021	0	0	0	1
XLOC_015420	MLF1	chr3:158288952-158324249	0	0	0	1
XLOC_015424	MIR3919	chr3:158787040-159615155	0	0	0	1
XLOC_015428	MIR15B	chr3:160117429-160152741	0	0	0	1
XLOC_015429	MIR16-2	chr3:160117429-160152741	0	0	0	1
XLOC_015433	OTOL1	chr3:161214595-161221730	0	0	0	1
XLOC_015435	LOC646168	chr3:167613735-167641797	0	0	0	1
XLOC_015436	EGFEM1P	chr3:167967309-168548374	0	0	0	1
XLOC_015437	MIR551B	chr3:167967309-168548374	0	0	0	1
XLOC_015440	SAMD7	chr3:169629481-169656948	0	0	0	1
XLOC_015449	NLGN1	chr3:173116243-174001116	0	0	0	1
XLOC_015450	NAALADL2	chr3:174577110-175523428	0	0	0	1
XLOC_015451	MIR4789	chr3:174577110-175523428	0	0	0	1
XLOC_015452	LINC00578	chr3:177159708-177470492	0	0	0	1
XLOC_015470	ABCC5-AS1	chr3:183637723-183735727	0	0	0	1
XLOC_015471	HTR3D	chr3:183749331-183757157	0	0	0	1
XLOC_015472	HTR3C	chr3:183770834-183778461	0	0	0	1
XLOC_015473	HTR3E	chr3:183814851-183824783	0	0	0	1
XLOC_015479	MIR1224	chr3:183948316-183967313	0	0	0	1
XLOC_015483	SNORD66	chr3:184032282-184053146	0	0	0	1
XLOC_015487	EPHB3	chr3:184279586-184300196	0	0	0	1
XLOC_015489	EHHADH-AS1	chr3:184880688-184971886	0	0	0	1
XLOC_015493	LOC344887	chr3:185677757-185698665	0	0	0	1
XLOC_015497	HRG	chr3:186383797-186396023	0	0	0	1
XLOC_015498	KNG1	chr3:186435097-186462199	0	0	0	1
XLOC_015500	SNORD2	chr3:186501360-186524484	0	0	0	1
XLOC_015504	ADIPOQ	chr3:186560462-186576252	0	0	0	1
XLOC_015506	RTP1	chr3:186915273-186919253	0	0	0	1
XLOC_015507	RTP4	chr3:187086167-187089369	0	0	0	1
XLOC_015508	LOC100131635	chr3:187416046-187463513	0	0	0	1
XLOC_015512	TP63	chr3:189349215-189615068	0	0	0	1
XLOC_015513	MIR944	chr3:189349215-189615068	0	0	0	1

XLOC_015516	SNAR-I	chr3:190595718-190595839	0	0	0	1
XLOC_015517	OSTN	chr3:190930321-190967910	0	0	0	1
XLOC_015519	PYDC2	chr3:191178951-191179245	0	0	0	1
XLOC_015529	MIR570	chr3:195426271-195426368	0	0	0	1
XLOC_015531	LOC401109	chr3:195869506-195887761	0	0	0	1
XLOC_015545	FAM157A	chr3:197879236-197907728	0	0	0	1
XLOC_015546	CNTN4-AS2	chr3:2140549-3099645	0	0	0	1
XLOC_015547	IL5RA	chr3:3108007-3152058	0	0	0	1
XLOC_015550	EGOT	chr3:4535031-4889524	0	0	0	1
XLOC_015551	BHLHE40-AS1	chr3:4939913-4948186	0	0	0	1
XLOC_015552	MIR4790	chr3:5291861-5291940	0	0	0	1
XLOC_015553	LMCD1-AS1	chr3:8262833-8543344	0	0	0	1
XLOC_015563	CIDEC	chr3:9908393-9921938	0	0	0	1
XLOC_015568	FANCD2OS	chr3:10068112-10149915	0	0	0	1
XLOC_015572	MIR885	chr3:10365706-10547268	0	0	0	1
XLOC_015573	LINC00606	chr3:10801168-10805877	0	0	0	1
XLOC_015574	SLC6A1-AS1	chr3:11034419-11080935	0	0	0	1
XLOC_015577	TIMP4	chr3:12045861-12233532	0	0	0	1
XLOC_015584	WNT7A	chr3:13860081-13921618	0	0	0	1
XLOC_015595	MIR4270	chr3:15491639-15563258	0	0	0	1
XLOC_015600	DAZL	chr3:16628300-16647006	0	0	0	1
XLOC_015603	MIR4791	chr3:19190016-19577135	0	0	0	1
XLOC_015607	ZNF385D	chr3:21462489-21792816	0	0	0	1
XLOC_015609	LINC00691	chr3:24141464-24144738	0	0	0	1
XLOC_015610	THRB	chr3:24158644-24541502	0	0	0	1
XLOC_015613	MIR4442	chr3:25706363-25706430	0	0	0	1
XLOC_015615	LINC00692	chr3:25900022-25915186	0	0	0	1
XLOC_015618	EOMES	chr3:27757885-27763785	0	0	0	1
XLOC_015620	GADL1	chr3:30767691-30936153	0	0	0	1
XLOC_015628	DCLK3	chr3:36753912-36781352	0	0	0	1
XLOC_015636	SCN10A	chr3:38738836-38835501	0	0	0	1
XLOC_015637	SCN11A	chr3:38887259-38992052	0	0	0	1
XLOC_015645	CCK	chr3:42299317-42307662	0	0	0	1
XLOC_015646	LYZL4	chr3:42438574-42452065	0	0	0	1
XLOC_015648	HHATL	chr3:42734154-42744319	0	0	0	1
XLOC_015660	LARS2-AS1	chr3:45430074-45590328	0	0	0	1
XLOC_015665	XCR1	chr3:46062290-46068979	0	0	0	1
XLOC_015666	CCR1	chr3:46243199-46249832	0	0	0	1
XLOC_015667	LTF	chr3:46477495-46506598	0	0	0	1
XLOC_015671	PRSS46	chr3:46761072-46777921	0	0	0	1
XLOC_015672	PRSS45	chr3:46783580-46786245	0	0	0	1
XLOC_015673	PRSS42	chr3:46871893-46875585	0	0	0	1
XLOC_015674	MYL3	chr3:46899356-46904973	0	0	0	1
XLOC_015685	SPINK8	chr3:48348335-48369831	0	0	0	1
XLOC_015702	MIR425	chr3:49044636-49060926	0	0	0	1
XLOC_015703	MIR191	chr3:49044636-49060926	0	0	0	1
XLOC_015711	LOC646498	chr3:49215068-49229291	0	0	0	1
XLOC_015717	BSN-AS2	chr3:49586738-49591799	0	0	0	1
XLOC_015722	CDHR4	chr3:49828166-49837254	0	0	0	1

XLOC_015725	CAMKV	chr3:49895421-49907369	0	0	0	1
XLOC_015742	IQCF6	chr3:51812576-51813203	0	0	0	1
XLOC_015743	IQCF5	chr3:51907736-51909600	0	0	0	1
XLOC_015750	LINC00696	chr3:52096109-52099128	0	0	0	1
XLOC_015755	MIRLET7G	chr3:52288437-52312659	0	0	0	1
XLOC_015756	MIR135A1	chr3:52321835-52329272	0	0	0	1
XLOC_015774	CACNA2D3-AS1	chr3:54156692-55108584	0	0	0	1
XLOC_015775	LRTM1	chr3:54156692-55108584	0	0	0	1
XLOC_015776	WNT5A	chr3:55499742-55521670	0	0	0	1
XLOC_015777	ERC2	chr3:55542335-56502391	0	0	0	1
XLOC_015778	ERC2-IT1	chr3:55542335-56502391	0	0	0	1
XLOC_015779	MIR3938	chr3:55542335-56502391	0	0	0	1
XLOC_015788	DNASE1L3	chr3:58178352-58196730	0	0	0	1
XLOC_015791	FAM107A	chr3:58549844-58563491	0	0	0	1
XLOC_015792	FAM3D	chr3:58619669-58652561	0	0	0	1
XLOC_015793	C3orf67	chr3:58727736-59035715	0	0	0	1
XLOC_015796	FEZF2	chr3:62355346-62359190	0	0	0	1
XLOC_015798	SYNPR-AS1	chr3:63263913-63602597	0	0	0	1
XLOC_015801	LOC100287879	chr3:64053639-64211131	0	0	0	1
XLOC_015802	PRICKLE2	chr3:64053639-64211131	0	0	0	1
XLOC_015807	FAM19A4	chr3:68780914-68981761	0	0	0	1
XLOC_015810	MIR3136	chr3:69068977-69101484	0	0	0	1
XLOC_015815	MIR1284	chr3:71003864-71633140	0	0	0	1
XLOC_015817	PROK2	chr3:71820805-71834357	0	0	0	1
XLOC_015820	PDZRN3	chr3:73431651-73674072	0	0	0	1
XLOC_015821	CNTN3	chr3:74311721-74570343	0	0	0	1
XLOC_015826	LOC440970	chr3:84687555-84918726	0	0	0	1
XLOC_015827	CADM2-AS2	chr3:85008132-86123579	0	0	0	1
XLOC_015828	RNU6-69	chr3:86490313-86490361	0	0	0	1
XLOC_015829	VGLL3	chr3:86987122-87040257	0	0	0	1
XLOC_015830	MIR4795	chr3:87275338-87275427	0	0	0	1
XLOC_015831	POU1F1	chr3:87308782-87325737	0	0	0	1
XLOC_015837	GABRR3	chr3:97705526-97754148	0	0	0	1
XLOC_015840	ST3GAL6-AS1	chr3:98433176-98514689	0	0	0	1
XLOC_015842	MIR548G	chr3:99273152-99897476	0	0	0	1
XLOC_015844	MIR3921	chr3:99273152-99897476	0	0	0	1
XLOC_015851	MIR548A3	chr3:103903475-103946105	0	0	0	1
XLOC_015854	LINC00635	chr3:107560508-107596915	0	0	0	1
XLOC_015859	RETNLB	chr3:108474485-108476130	0	0	0	1
XLOC_015860	GUCA1C	chr3:108626641-108672677	0	0	0	1
XLOC_015861	MORC1	chr3:108677086-108836993	0	0	0	1
XLOC_015862	DPPA2	chr3:109012634-109035364	0	0	0	1
XLOC_015863	DPPA4	chr3:109044987-109056419	0	0	0	1
XLOC_015865	ZBED2	chr3:111260925-111371206	0	0	0	1
XLOC_015871	CD200R1L	chr3:112534555-112564797	0	0	0	1
XLOC_015879	DRD3	chr3:113847556-113897899	0	0	0	1
XLOC_015881	MIR568	chr3:114035321-114035416	0	0	0	1
XLOC_015883	MIR4796	chr3:114056946-114866127	0	0	0	1
XLOC_015888	CD80	chr3:119243139-119278481	0	0	0	1

XLOC_015901	ILDR1	chr3:121706169-121741127	0	0	0	1
XLOC_015907	SEMA5B	chr3:122628039-122747452	0	0	0	1
XLOC_015912	ROPN1	chr3:123687878-123710199	0	0	0	1
XLOC_015917	MIR5092	chr3:124801479-124931609	0	0	0	1
XLOC_015921	MIR54811	chr3:125509246-125509395	0	0	0	1
XLOC_015928	C3orf22	chr3:126268518-126277758	0	0	0	1
XLOC_015935	C3orf27	chr3:128290842-128294929	0	0	0	1
XLOC_015938	KIAA1257	chr3:128689781-128712986	0	0	0	1
XLOC_015954	CPNE4	chr3:131253576-131753844	0	0	0	1
XLOC_015955	MIR5704	chr3:131253576-131753844	0	0	0	1
XLOC_015959	C3orf36	chr3:133646989-133648656	0	0	0	1
XLOC_015960	SLCO2A1	chr3:133651539-133748920	0	0	0	1
XLOC_015964	KY	chr3:134318764-134369864	0	0	0	1
XLOC_015968	A4GNT	chr3:137842559-137851229	0	0	0	1
XLOC_015973	FOXL2	chr3:138663065-138665982	0	0	0	1
XLOC_015975	PRR23B	chr3:138737872-138739768	0	0	0	1
XLOC_015977	PISRT1	chr3:138951833-138952364	0	0	0	1
XLOC_015979	RBP2	chr3:139171725-139195352	0	0	0	1
XLOC_015980	RBP1	chr3:139236275-139258671	0	0	0	1
XLOC_015986	PCOLCE2	chr3:142536701-142608045	0	0	0	1
XLOC_015987	PAQR9	chr3:142680073-142682178	0	0	0	1
XLOC_015991	PLSCR4	chr3:145910123-145968966	0	0	0	1
XLOC_015992	PLSCR2	chr3:146151074-146213778	0	0	0	1
XLOC_015994	PLSCR5	chr3:146303624-146324003	0	0	0	1
XLOC_015995	ZIC4	chr3:147103834-147124596	0	0	0	1
XLOC_016002	ANKUB1	chr3:149478889-149510610	0	0	0	1
XLOC_016007	CLRN1	chr3:150643949-150797617	0	0	0	1
XLOC_016008	GPR171	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016009	P2RY14	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016011	P2RY13	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016012	P2RY12	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016013	IGSF10	chr3:150804675-151176497	0	0	0	1
XLOC_016014	MIR5186	chr3:151283663-151283783	0	0	0	1
XLOC_016019	GPR149	chr3:154055460-154147504	0	0	0	1
XLOC_016024	KCNAB1-AS2	chr3:155838336-156256927	0	0	0	1
XLOC_016025	KCNAB1-AS1	chr3:155838336-156256927	0	0	0	1
XLOC_016028	LOC730091	chr3:156465131-156534851	0	0	0	1
XLOC_016041	SPTSSB	chr3:161062579-161089871	0	0	0	1
XLOC_016042	CT64	chr3:162895030-163021089	0	0	0	1
XLOC_016044	SLITRK3	chr3:164904507-164914469	0	0	0	1
XLOC_016045	BCHE	chr3:165490691-165555253	0	0	0	1
XLOC_016046	ZBBX	chr3:166958076-167098085	0	0	0	1
XLOC_016055	LRR31	chr3:169557028-169587660	0	0	0	1
XLOC_016061	SLC2A2	chr3:170714136-170744768	0	0	0	1
XLOC_016063	MIR569	chr3:170780291-171178197	0	0	0	1
XLOC_016065	GHSR	chr3:172161080-172166246	0	0	0	1
XLOC_016068	SPATA16	chr3:172607146-172859058	0	0	0	1
XLOC_016069	NAALADL2-AS3	chr3:174577110-175523428	0	0	0	1
XLOC_016078	FLJ46066	chr3:182164757-182204150	0	0	0	1

XLOC_016092	C3orf70	chr3:184795837-184870802	0	0	0	1
XLOC_016100	LOC253573	chr3:186172769-186211450	0	0	0	1
XLOC_016104	ADIPOQ-AS1	chr3:186560462-186576252	0	0	0	1
XLOC_016105	RPL39L	chr3:186838740-186857263	0	0	0	1
XLOC_016107	SST	chr3:187386693-187388201	0	0	0	1
XLOC_016108	RTP2	chr3:187416046-187463513	0	0	0	1
XLOC_016113	CLDN1	chr3:190023489-190040235	0	0	0	1
XLOC_016114	TMEM207	chr3:190146443-190167665	0	0	0	1
XLOC_016115	GMNC	chr3:190570525-190580465	0	0	0	1
XLOC_016117	FGF12	chr3:191857181-192445388	0	0	0	1
XLOC_016120	ATP13A4	chr3:193119865-193272696	0	0	0	1
XLOC_016121	OPA1-AS1	chr3:193310932-193415600	0	0	0	1
XLOC_016122	LOC647323	chr3:193675160-193721448	0	0	0	1
XLOC_016123	DPPA2P3	chr3:193675160-193721448	0	0	0	1
XLOC_016124	LOC100131551	chr3:194018988-194030593	0	0	0	1
XLOC_016125	CPN2	chr3:194060493-194072057	0	0	0	1
XLOC_016133	MIR5692C1	chr3:195208644-195208667	0	0	0	1
XLOC_016135	APOD	chr3:195295572-195311076	0	0	0	1
XLOC_016152	MIR4797	chr3:196769430-197030621	0	0	0	1
XLOC_016160	ZNF141	chr4:331595-367691	0	0	0	1
XLOC_016178	LOC402160	chr4:2420700-2464690	0	0	0	1
XLOC_016190	FLJ35424	chr4:3578595-3592712	0	0	0	1
XLOC_016196	STK32B	chr4:5053526-5502725	0	0	0	1
XLOC_016199	LOC285484	chr4:6202459-6235663	0	0	0	1
XLOC_016210	MIR4798	chr4:7194373-7744564	0	0	0	1
XLOC_016211	MIR4274	chr4:7194373-7744564	0	0	0	1
XLOC_016216	GPR78	chr4:8581963-8591750	0	0	0	1
XLOC_016218	LOC650293	chr4:8951476-8952127	0	0	0	1
XLOC_016219	USP17L10	chr4:9212382-9213975	0	0	0	1
XLOC_016220	USP17L18	chr4:9217130-9218723	0	0	0	1
XLOC_016221	USP17L21	chr4:9221877-9223470	0	0	0	1
XLOC_016222	USP17L13	chr4:9226621-9228214	0	0	0	1
XLOC_016223	USP17L15	chr4:9236110-9238060	0	0	0	1
XLOC_016224	USP17L17	chr4:9245604-9247197	0	0	0	1
XLOC_016225	USP17L18	chr4:9250355-9251948	0	0	0	1
XLOC_016226	USP17L19	chr4:9255103-9256696	0	0	0	1
XLOC_016227	USP17L22	chr4:9259849-9261442	0	0	0	1
XLOC_016228	USP17L12	chr4:9264597-9266190	0	0	0	1
XLOC_016229	USP17L22	chr4:9269344-9270937	0	0	0	1
XLOC_016230	USP17L28	chr4:9326890-9328483	0	0	0	1
XLOC_016231	USP17L26	chr4:9331636-9333229	0	0	0	1
XLOC_016232	USP17L24	chr4:9336383-9337976	0	0	0	1
XLOC_016233	USP17L28	chr4:9341128-9342721	0	0	0	1
XLOC_016234	USP17L25	chr4:9345873-9347466	0	0	0	1
XLOC_016235	USP17L30	chr4:9350618-9352211	0	0	0	1
XLOC_016236	USP17L27	chr4:9355363-9356956	0	0	0	1
XLOC_016237	USP17L9P	chr4:9360107-9361700	0	0	0	1
XLOC_016238	USP17L27	chr4:9364854-9366447	0	0	0	1
XLOC_016239	USP17L6P	chr4:9369599-9370796	0	0	0	1

XLOC_016242	MIR572	chr4:11370450-11370545	0	0	0	1
XLOC_016243	MIR5091	chr4:13629488-13629581	0	0	0	1
XLOC_016244	LOC152742	chr4:14113591-14141676	0	0	0	1
XLOC_016250	CD38	chr4:15779930-15850706	0	0	0	1
XLOC_016252	CLRN2	chr4:17516787-17528727	0	0	0	1
XLOC_016256	SLIT2	chr4:20255234-20620788	0	0	0	1
XLOC_016257	SLIT2-IT1	chr4:20255234-20620788	0	0	0	1
XLOC_016258	MIR218-1	chr4:20255234-20620788	0	0	0	1
XLOC_016260	GBA3	chr4:22694547-22821192	0	0	0	1
XLOC_016261	SOD3	chr4:24797084-24802467	0	0	0	1
XLOC_016266	SLC34A2	chr4:25657434-25680368	0	0	0	1
XLOC_016271	MIR4275	chr4:28821203-28821290	0	0	0	1
XLOC_016272	PCDH7	chr4:30722029-31148423	0	0	0	1
XLOC_016273	DTHD1	chr4:36283236-36346407	0	0	0	1
XLOC_016274	KIAA1239	chr4:37246689-37451087	0	0	0	1
XLOC_016281	MIR574	chr4:38869353-38947365	0	0	0	1
XLOC_016291	CHRNA9	chr4:40337345-40357234	0	0	0	1
XLOC_016292	NSUN7	chr4:40751913-40812002	0	0	0	1
XLOC_016293	UCHL1	chr4:41258897-41270446	0	0	0	1
XLOC_016298	SHISA3	chr4:42399855-42404504	0	0	0	1
XLOC_016299	GRXCR1	chr4:42895282-43032675	0	0	0	1
XLOC_016301	GABRB1	chr4:47033294-47428447	0	0	0	1
XLOC_016308	CWH43	chr4:48988264-49064095	0	0	0	1
XLOC_016310	SPATA18	chr4:52917592-52963458	0	0	0	1
XLOC_016312	MIR4449	chr4:53578620-53580305	0	0	0	1
XLOC_016314	LOC152578	chr4:53656160-53681631	0	0	0	1
XLOC_016317	LNX1-AS1	chr4:54326436-54457753	0	0	0	1
XLOC_016318	LNX1-AS2	chr4:54459122-54471548	0	0	0	1
XLOC_016319	GSX2	chr4:54966247-54968122	0	0	0	1
XLOC_016320	PDGFRA	chr4:55095263-55164412	0	0	0	1
XLOC_016321	KIT	chr4:55524094-55606881	0	0	0	1
XLOC_016324	LOC644145	chr4:56686236-56703430	0	0	0	1
XLOC_016331	THEGL	chr4:57396774-57469489	0	0	0	1
XLOC_016334	LOC255130	chr4:57845108-58071465	0	0	0	1
XLOC_016335	LPHN3	chr4:62362838-62938168	0	0	0	1
XLOC_016336	LOC100144602	chr4:66535678-66559104	0	0	0	1
XLOC_016339	LOC550113	chr4:68918915-68995587	0	0	0	1
XLOC_016340	FTLP10	chr4:69048009-69083798	0	0	0	1
XLOC_016341	TMPRSS11E	chr4:69313166-69363322	0	0	0	1
XLOC_016342	UGT2B10	chr4:69681712-69697741	0	0	0	1
XLOC_016343	UGT2B7	chr4:69962192-69978705	0	0	0	1
XLOC_016344	UGT2B28	chr4:70146216-70160768	0	0	0	1
XLOC_016345	CSN1S1	chr4:70796798-70812288	0	0	0	1
XLOC_016346	STATH	chr4:70861647-70868173	0	0	0	1
XLOC_016347	HTN3	chr4:70894129-70902255	0	0	0	1
XLOC_016348	HTN1	chr4:70916158-70924559	0	0	0	1
XLOC_016349	CSN1S2AP	chr4:70933102-70950988	0	0	0	1
XLOC_016350	CSN1S2BP	chr4:70999320-71012421	0	0	0	1
XLOC_016351	C4orf40	chr4:71019903-71032326	0	0	0	1

XLOC_016352	ODAM	chr4:71062243-71070293	0	0	0	1
XLOC_016353	FDCSP	chr4:71091787-71100968	0	0	0	1
XLOC_016354	CSN3	chr4:71108332-71117145	0	0	0	1
XLOC_016355	CABS1	chr4:71200670-71202833	0	0	0	1
XLOC_016356	SMR3A	chr4:71226492-71232823	0	0	0	1
XLOC_016357	SMR3B	chr4:71248794-71255961	0	0	0	1
XLOC_016358	PROL1	chr4:71263598-71275914	0	0	0	1
XLOC_016359	MUC7	chr4:71296208-71348714	0	0	0	1
XLOC_016360	AMTN	chr4:71384297-71398459	0	0	0	1
XLOC_016361	AMBN	chr4:71457974-71473004	0	0	0	1
XLOC_016368	NPFFR2	chr4:72897520-73013918	0	0	0	1
XLOC_016370	AFP	chr4:74301932-74321492	0	0	0	1
XLOC_016371	AFM	chr4:74347461-74369718	0	0	0	1
XLOC_016372	LOC728040	chr4:74374519-74394250	0	0	0	1
XLOC_016374	CXCL6	chr4:74702272-74704477	0	0	0	1
XLOC_016375	PF4V1	chr4:74719012-74720198	0	0	0	1
XLOC_016380	AREG	chr4:75310852-75320726	0	0	0	1
XLOC_016381	AREG	chr4:75480628-75490485	0	0	0	1
XLOC_016383	LOC441025	chr4:76279285-76287776	0	0	0	1
XLOC_016387	ART3	chr4:76932332-77033955	0	0	0	1
XLOC_016390	MIR4450	chr4:77356252-77704405	0	0	0	1
XLOC_016401	GDEP	chr4:80748624-80784401	0	0	0	1
XLOC_016414	MIR4451	chr4:86396283-86923823	0	0	0	1
XLOC_016418	DSPP	chr4:88529680-88538025	0	0	0	1
XLOC_016419	DMP1	chr4:88571453-88585512	0	0	0	1
XLOC_016420	IBSP	chr4:88720701-88733601	0	0	0	1
XLOC_016421	MEPE	chr4:88742562-88767968	0	0	0	1
XLOC_016429	LOC644248	chr4:90645249-90763142	0	0	0	1
XLOC_016430	MMRN1	chr4:90816051-90875780	0	0	0	1
XLOC_016431	CCSER1	chr4:91048683-92523370	0	0	0	1
XLOC_016432	GRID2	chr4:93225549-94693649	0	0	0	1
XLOC_016433	ATOH1	chr4:94750077-94751142	0	0	0	1
XLOC_016436	BMPR1B	chr4:95679127-96079601	0	0	0	1
XLOC_016437	PDHA2	chr4:96761238-96762625	0	0	0	1
XLOC_016440	MIR3684	chr4:99916787-99983960	0	0	0	1
XLOC_016442	C4orf17	chr4:100432160-100463460	0	0	0	1
XLOC_016447	BANK1	chr4:102711763-102995969	0	0	0	1
XLOC_016452	ARHGEF38-IT1	chr4:106473776-106602070	0	0	0	1
XLOC_016474	MIR1243	chr4:113739238-114304896	0	0	0	1
XLOC_016476	MIR577	chr4:115519610-115598202	0	0	0	1
XLOC_016477	MIR1973	chr4:117220880-117220924	0	0	0	1
XLOC_016478	NDST3	chr4:118955499-119179789	0	0	0	1
XLOC_016481	CEP170P1	chr4:119437494-119475359	0	0	0	1
XLOC_016487	PP12613	chr4:122680084-122687963	0	0	0	1
XLOC_016495	LOC285419	chr4:124573939-124851518	0	0	0	1
XLOC_016496	FAT4	chr4:126237566-126414087	0	0	0	1
XLOC_016497	MIR2054	chr4:126428413-126428462	0	0	0	1
XLOC_016499	SLC25A31	chr4:128651554-128695447	0	0	0	1
XLOC_016506	PCDH10	chr4:134070469-134112732	0	0	0	1

XLOC_016508	LINC00499	chr4:139230864-139345498	0	0	0	1
XLOC_016513	SCOC	chr4:141178439-141303710	0	0	0	1
XLOC_016520	GUSBP5	chr4:144480624-144482613	0	0	0	1
XLOC_016521	HHIP	chr4:145564067-145659881	0	0	0	1
XLOC_016525	C4orf51	chr4:146601355-146653948	0	0	0	1
XLOC_016528	EDNRA	chr4:148402068-148466106	0	0	0	1
XLOC_016531	MIR4799	chr4:148653452-148993927	0	0	0	1
XLOC_016535	PRSS48	chr4:152198324-152212605	0	0	0	1
XLOC_016543	TLR2	chr4:154605440-154627242	0	0	0	1
XLOC_016544	FGF	chr4:155484131-155493915	0	0	0	1
XLOC_016546	RBM46	chr4:155702426-155749965	0	0	0	1
XLOC_016547	NPY2R	chr4:156129780-156138228	0	0	0	1
XLOC_016548	GUCY1A3	chr4:156587861-156658214	0	0	0	1
XLOC_016549	GUCY1B3	chr4:156680125-156728783	0	0	0	1
XLOC_016551	GLRB	chr4:157997276-158093242	0	0	0	1
XLOC_016552	GRIA2	chr4:158141735-158287226	0	0	0	1
XLOC_016553	LOC340017	chr4:158493641-158497303	0	0	0	1
XLOC_016555	RXFP1	chr4:159442865-159574521	0	0	0	1
XLOC_016558	MIR3688-2	chr4:160049953-160050046	0	0	0	1
XLOC_016560	NPY5R	chr4:164265090-164273086	0	0	0	1
XLOC_016562	MIR5684	chr4:165426541-165630646	0	0	0	1
XLOC_016563	LOC100505989	chr4:165675282-165724947	0	0	0	1
XLOC_016564	LOC100506013	chr4:165798155-165818676	0	0	0	1
XLOC_016565	FAM218A	chr4:165875597-165898818	0	0	0	1
XLOC_016566	TRIM60	chr4:165953150-165962896	0	0	0	1
XLOC_016569	CPE	chr4:166300096-166419482	0	0	0	1
XLOC_016570	MIR578	chr4:166300096-166419482	0	0	0	1
XLOC_016571	TLL1	chr4:166794409-167025609	0	0	0	1
XLOC_016572	ANXA10	chr4:169013687-169108893	0	0	0	1
XLOC_016575	LOC100506122	chr4:171961752-171980311	0	0	0	1
XLOC_016576	GALNTL6	chr4:172734574-173961558	0	0	0	1
XLOC_016579	NBLA00301	chr4:174451608-174462981	0	0	0	1
XLOC_016581	MIR4276	chr4:175344945-175345015	0	0	0	1
XLOC_016582	ADAM29	chr4:175839508-175899331	0	0	0	1
XLOC_016583	WDR17	chr4:176986984-177103979	0	0	0	1
XLOC_016586	LOC285501	chr4:178649910-178911904	0	0	0	1
XLOC_016587	MIR1305	chr4:183090445-183090531	0	0	0	1
XLOC_016596	HELT	chr4:185940082-185941926	0	0	0	1
XLOC_016605	F11	chr4:187187117-187422212	0	0	0	1
XLOC_016606	ZFP42	chr4:188916924-188926199	0	0	0	1
XLOC_016608	LOC401164	chr4:189376731-189523062	0	0	0	1
XLOC_016610	DUX2	chr4:190988866-190990406	0	0	0	1
XLOC_016611	DUX4L4	chr4:190992092-190993703	0	0	0	1
XLOC_016612	DUX4L5	chr4:190995385-190996996	0	0	0	1
XLOC_016613	DUX4L6	chr4:190998678-191000289	0	0	0	1
XLOC_016614	DUX4L4	chr4:191001978-191003583	0	0	0	1
XLOC_016615	DUX4	chr4:191005266-191006883	0	0	0	1
XLOC_016616	DUX4L3	chr4:191008565-191010176	0	0	0	1
XLOC_016617	DUX4	chr4:191011859-191013476	0	0	0	1

XLOC_016627	RNF212	chr4:1065265-1107352	0	0	0	1
XLOC_016628	TMED11P	chr4:1108984-1116952	0	0	0	1
XLOC_016642	HTT-AS1	chr4:3064972-3076241	0	0	0	1
XLOC_016644	LOC100133461	chr4:3675319-3679582	0	0	0	1
XLOC_016650	CYTL1	chr4:5016313-5021197	0	0	0	1
XLOC_016651	EVC2	chr4:5564145-5711275	0	0	0	1
XLOC_016653	MIR378D1	chr4:5925001-5925055	0	0	0	1
XLOC_016654	JAKMIP1	chr4:6027925-6202318	0	0	0	1
XLOC_016661	PSAPL1	chr4:7194373-7744564	0	0	0	1
XLOC_016665	HMX1	chr4:8868772-8873543	0	0	0	1
XLOC_016666	MIR548I2	chr4:9557788-9557937	0	0	0	1
XLOC_016669	MIR3138	chr4:10075962-10118573	0	0	0	1
XLOC_016671	CLNK	chr4:10491837-10686386	0	0	0	1
XLOC_016672	HS3ST1	chr4:11399987-11430537	0	0	0	1
XLOC_016674	LOC285547	chr4:13527942-13533041	0	0	0	1
XLOC_016675	NKX3-2	chr4:13542453-13546114	0	0	0	1
XLOC_016676	LOC285548	chr4:13547699-13549448	0	0	0	1
XLOC_016678	LOC441009	chr4:14911584-15003669	0	0	0	1
XLOC_016680	FGFBP1	chr4:15937192-15940363	0	0	0	1
XLOC_016681	FGFBP2	chr4:15961862-15964859	0	0	0	1
XLOC_016684	LDB2	chr4:16503164-16900424	0	0	0	1
XLOC_016685	MIR548AX	chr4:16503164-16900424	0	0	0	1
XLOC_016691	KCNIP4-IT1	chr4:20730238-21950374	0	0	0	1
XLOC_016694	MIR548AJ2	chr4:23199716-23464726	0	0	0	1
XLOC_016696	MIR573	chr4:24521814-24521913	0	0	0	1
XLOC_016702	CCKAR	chr4:26483017-26492042	0	0	0	1
XLOC_016704	MIR4801	chr4:37243531-37243613	0	0	0	1
XLOC_016716	LOC344967	chr4:40044536-40159872	0	0	0	1
XLOC_016718	MIR4802	chr4:40425271-40631883	0	0	0	1
XLOC_016720	PHOX2B	chr4:41746098-41750987	0	0	0	1
XLOC_016721	BEND4	chr4:42112869-42154895	0	0	0	1
XLOC_016723	KCTD8	chr4:44175919-44450824	0	0	0	1
XLOC_016724	YIPF7	chr4:44624353-44653658	0	0	0	1
XLOC_016727	GABRA2	chr4:46251580-46392056	0	0	0	1
XLOC_016728	COX7B2	chr4:46736846-46911252	0	0	0	1
XLOC_016729	GABRA4	chr4:46920916-46996424	0	0	0	1
XLOC_016741	ERVMER34-1	chr4:53609683-53617807	0	0	0	1
XLOC_016753	HOPX	chr4:57514153-57547872	0	0	0	1
XLOC_016754	SPINK2	chr4:57676025-57688035	0	0	0	1
XLOC_016757	TECRL	chr4:65144176-65275178	0	0	0	1
XLOC_016758	LOC401134	chr4:65779998-65870218	0	0	0	1
XLOC_016759	EPHA5	chr4:66185280-66535653	0	0	0	1
XLOC_016763	TMPRSS11D	chr4:68686593-68749716	0	0	0	1
XLOC_016764	TMPRSS11A	chr4:68776018-68829232	0	0	0	1
XLOC_016765	TMPRSS11GP	chr4:68857529-68863157	0	0	0	1
XLOC_016766	TMPRSS11F	chr4:68918915-68995587	0	0	0	1
XLOC_016767	SYT14L	chr4:68918915-68995587	0	0	0	1
XLOC_016768	TMPRSS11BNL	chr4:69048009-69083798	0	0	0	1
XLOC_016769	TMPRSS11B	chr4:69092370-69111412	0	0	0	1

XLOC_016772	UGT2B15	chr4:69512314-69536494	0	0	0	1
XLOC_016773	UGT2A3	chr4:69794176-69817509	0	0	0	1
XLOC_016774	UGT2B10	chr4:69870294-69886113	0	0	0	1
XLOC_016775	UGT2B11	chr4:70066050-70080449	0	0	0	1
XLOC_016776	UGT2B4	chr4:70345882-70361626	0	0	0	1
XLOC_016778	SULT1B1	chr4:70592685-70626430	0	0	0	1
XLOC_016780	CSN2	chr4:70820973-70826726	0	0	0	1
XLOC_016783	GC	chr4:72607410-72671237	0	0	0	1
XLOC_016784	ADAMTS3	chr4:73146685-73434516	0	0	0	1
XLOC_016787	RASSF6	chr4:74437266-74486348	0	0	0	1
XLOC_016788	PF4	chr4:74846541-74847841	0	0	0	1
XLOC_016789	PPBP	chr4:74852155-74853907	0	0	0	1
XLOC_016790	CXCL5	chr4:74861358-74864416	0	0	0	1
XLOC_016792	PPBPP2	chr4:74919754-74921116	0	0	0	1
XLOC_016801	CXCL9	chr4:76922622-76928641	0	0	0	1
XLOC_016802	CXCL10	chr4:76932332-77033955	0	0	0	1
XLOC_016803	CXCL11	chr4:76932332-77033955	0	0	0	1
XLOC_016807	SOWAHB	chr4:77816081-77819002	0	0	0	1
XLOC_016811	NAA11	chr4:80238271-80247171	0	0	0	1
XLOC_016812	GK2	chr4:80327506-80329372	0	0	0	1
XLOC_016814	PRKG2	chr4:82009836-82126215	0	0	0	1
XLOC_016819	LINC00575	chr4:83534265-83542590	0	0	0	1
XLOC_016821	MIR575	chr4:83550689-83720010	0	0	0	1
XLOC_016830	NKX6-1	chr4:85414435-85419387	0	0	0	1
XLOC_016832	MAPK10	chr4:86936275-87374283	0	0	0	1
XLOC_016837	MIR5705	chr4:88221646-88221735	0	0	0	1
XLOC_016840	SPARCL1	chr4:88394487-88450655	0	0	0	1
XLOC_016846	GPRIN3	chr4:90165428-90229161	0	0	0	1
XLOC_016847	SNCA	chr4:90645249-90763142	0	0	0	1
XLOC_016848	HPGDS	chr4:95219706-95264027	0	0	0	1
XLOC_016849	UNC5C	chr4:96083655-96470361	0	0	0	1
XLOC_016850	STPG2	chr4:98480024-99064391	0	0	0	1
XLOC_016854	ADH4	chr4:100010007-100222513	0	0	0	1
XLOC_016855	PCNAP1	chr4:100010007-100222513	0	0	0	1
XLOC_016857	ADH1A	chr4:100010007-100222513	0	0	0	1
XLOC_016858	ADH1B	chr4:100227526-100242572	0	0	0	1
XLOC_016859	ADH1C	chr4:100257648-100273917	0	0	0	1
XLOC_016860	ADH7	chr4:100333417-100356667	0	0	0	1
XLOC_016865	DDIT4L	chr4:101107026-101111655	0	0	0	1
XLOC_016866	EMCN	chr4:101316497-101439250	0	0	0	1
XLOC_016867	EMCN-IT3	chr4:101581435-101596270	0	0	0	1
XLOC_016876	TACR3	chr4:104510624-104640973	0	0	0	1
XLOC_016881	GIMD1	chr4:107279339-107288592	0	0	0	1
XLOC_016882	DKK2	chr4:107842958-107957453	0	0	0	1
XLOC_016886	AGXT2L1	chr4:109663201-109684235	0	0	0	1
XLOC_016891	CFI	chr4:110661847-110723335	0	0	0	1
XLOC_016895	NEUROG2	chr4:113434671-113437328	0	0	0	1
XLOC_016897	MIR367	chr4:113460488-113578748	0	0	0	1
XLOC_016898	MIR302D	chr4:113460488-113578748	0	0	0	1

XLOC_016899	MIR302A	chr4:113460488-113578748	0	0	0	1
XLOC_016900	MIR302C	chr4:113460488-113578748	0	0	0	1
XLOC_016901	MIR302B	chr4:113460488-113578748	0	0	0	1
XLOC_016904	NDST4	chr4:115748926-116035032	0	0	0	1
XLOC_016905	TRAM1L1	chr4:118004709-118006736	0	0	0	1
XLOC_016915	TNIP3	chr4:122052563-122148621	0	0	0	1
XLOC_016916	QRFPR	chr4:122249796-122302181	0	0	0	1
XLOC_016918	TMEM155	chr4:122680084-122687963	0	0	0	1
XLOC_016921	TRPC3	chr4:122800182-122872909	0	0	0	1
XLOC_016922	IL2	chr4:123372625-123377650	0	0	0	1
XLOC_016923	IL21	chr4:123533782-123542212	0	0	0	1
XLOC_016930	PABPC4L	chr4:135117488-135122903	0	0	0	1
XLOC_016932	LINC00616	chr4:138948576-139163503	0	0	0	1
XLOC_016939	LOC100129858	chr4:141178439-141303710	0	0	0	1
XLOC_016940	CLGN	chr4:141309606-141348815	0	0	0	1
XLOC_016941	UCP1	chr4:141481049-141489959	0	0	0	1
XLOC_016942	TBC1D9	chr4:141541935-141677471	0	0	0	1
XLOC_016943	TNRC18P1	chr4:141541935-141677471	0	0	0	1
XLOC_016944	RNF150	chr4:141786724-142054616	0	0	0	1
XLOC_016945	INPP4B	chr4:142949181-143767604	0	0	0	1
XLOC_016946	FREM3	chr4:144498560-144621828	0	0	0	1
XLOC_016947	GYPE	chr4:144792018-144826716	0	0	0	1
XLOC_016948	GYPB	chr4:144917256-144940496	0	0	0	1
XLOC_016949	GYPA	chr4:145030455-145061904	0	0	0	1
XLOC_016954	LOC100505545	chr4:147030606-147043065	0	0	0	1
XLOC_016956	TTC29	chr4:147628178-147867034	0	0	0	1
XLOC_016963	MIR3140	chr4:153242409-153456393	0	0	0	1
XLOC_016964	TMEM154	chr4:153547265-153601317	0	0	0	1
XLOC_016967	RNF175	chr4:154631311-154681387	0	0	0	1
XLOC_016968	SFRP2	chr4:154701741-154710228	0	0	0	1
XLOC_016969	DCHS2	chr4:155155526-155412930	0	0	0	1
XLOC_016971	FGA	chr4:155504279-155511897	0	0	0	1
XLOC_016972	FGG	chr4:155525285-155533902	0	0	0	1
XLOC_016973	MAP9	chr4:156263811-156298122	0	0	0	1
XLOC_016974	ASIC5	chr4:156750880-156787425	0	0	0	1
XLOC_016976	PDGFC	chr4:157682762-157892546	0	0	0	1
XLOC_016980	C4orf45	chr4:159690181-159956333	0	0	0	1
XLOC_016981	MIR3688-1	chr4:160049953-160050046	0	0	0	1
XLOC_016982	FSTL5	chr4:162305043-163085186	0	0	0	1
XLOC_016984	NPY1R	chr4:164245116-164253947	0	0	0	1
XLOC_016985	TKTL2	chr4:164392246-164395047	0	0	0	1
XLOC_016987	ANP32C	chr4:164445449-165304407	0	0	0	1
XLOC_016988	TRIM61	chr4:165875597-165898818	0	0	0	1
XLOC_016998	LOC100506085	chr4:170838911-170897053	0	0	0	1
XLOC_017002	SCRG1	chr4:174309298-174320617	0	0	0	1
XLOC_017003	HAND2	chr4:174447651-174451378	0	0	0	1
XLOC_017005	HPGD	chr4:175411327-175444049	0	0	0	1
XLOC_017006	GLRA3	chr4:175563197-175750465	0	0	0	1
XLOC_017009	ASB5	chr4:177134825-177190373	0	0	0	1

XLOC_017010	VEGFC	chr4:177604690-177713895	0	0	0	1
XLOC_017012	LINC00290	chr4:181985242-182080302	0	0	0	1
XLOC_017021	LOC728175	chr4:185262183-185275130	0	0	0	1
XLOC_017028	MIR3945	chr4:185772166-185772264	0	0	0	1
XLOC_017029	LOC100506229	chr4:185814153-185820615	0	0	0	1
XLOC_017034	PDLIM3	chr4:186421814-186456712	0	0	0	1
XLOC_017035	SORBS2	chr4:186506597-186877870	0	0	0	1
XLOC_017037	LOC285441	chr4:187187117-187422212	0	0	0	1
XLOC_017038	MTNR1A	chr4:187454808-187476537	0	0	0	1
XLOC_017040	LOC339975	chr4:188225236-188426767	0	0	0	1
XLOC_017042	FRG2	chr4:190945522-190948412	0	0	0	1
XLOC_017059	SLC6A19	chr5:1201709-1225230	0	0	0	1
XLOC_017060	SLC6A18	chr5:1225469-1246304	0	0	0	1
XLOC_017063	IRX1	chr5:3596167-3601517	0	0	0	1
XLOC_017064	LOC340094	chr5:5034471-5070115	0	0	0	1
XLOC_017067	UBE2QL1	chr5:6448735-6496834	0	0	0	1
XLOC_017068	LOC255167	chr5:6582286-6588613	0	0	0	1
XLOC_017071	ADCY2	chr5:7396342-7830194	0	0	0	1
XLOC_017074	LOC100505806	chr5:9546311-9550409	0	0	0	1
XLOC_017075	SNORD123	chr5:9546311-9550409	0	0	0	1
XLOC_017080	CT49	chr5:12574968-12805295	0	0	0	1
XLOC_017085	FBXL7	chr5:15500304-15939900	0	0	0	1
XLOC_017086	BASP1	chr5:17130136-17276954	0	0	0	1
XLOC_017088	PMCHL1	chr5:21750972-22853731	0	0	0	1
XLOC_017089	PRDM9	chr5:23507723-23528706	0	0	0	1
XLOC_017091	LSP1P3	chr5:28926976-28927420	0	0	0	1
XLOC_017097	LOC340113	chr5:32947548-32962573	0	0	0	1
XLOC_017099	RXFP3	chr5:33936490-33939023	0	0	0	1
XLOC_017105	IL7R	chr5:35856976-35879705	0	0	0	1
XLOC_017107	SLC1A3	chr5:36606456-36688436	0	0	0	1
XLOC_017110	EGFLAM	chr5:38258510-38465582	0	0	0	1
XLOC_017118	CCDC152	chr5:42756919-42812024	0	0	0	1
XLOC_017122	NNT	chr5:43573286-43705668	0	0	0	1
XLOC_017131	HSPB3	chr5:53751430-53752214	0	0	0	1
XLOC_017132	SNX18	chr5:53813588-53842416	0	0	0	1
XLOC_017133	GZMK	chr5:54320106-54329960	0	0	0	1
XLOC_017134	GZMA	chr5:54398473-54406080	0	0	0	1
XLOC_017142	GAPT	chr5:57787329-57792185	0	0	0	1
XLOC_017143	RAB3C	chr5:57878938-58147406	0	0	0	1
XLOC_017144	PART1	chr5:58264865-59843484	0	0	0	1
XLOC_017147	C5orf64	chr5:60933635-61002362	0	0	0	1
XLOC_017150	RNF180	chr5:63461670-63668696	0	0	0	1
XLOC_017151	RGS7BP	chr5:63801773-63908121	0	0	0	1
XLOC_017152	FAM159B	chr5:63986134-64064496	0	0	0	1
XLOC_017174	SERF1A	chr5:70196489-70214357	0	0	0	1
XLOC_017179	CARTPT	chr5:71014989-71016875	0	0	0	1
XLOC_017181	MIR4803	chr5:71403117-71505397	0	0	0	1
XLOC_017184	MIR4804	chr5:72112417-72210215	0	0	0	1
XLOC_017187	TMEM174	chr5:72469022-72470970	0	0	0	1

XLOC_017196	SV2C	chr5:75379304-75621416	0	0	0	1
XLOC_017198	NCRUPAR	chr5:76008227-76008713	0	0	0	1
XLOC_017200	F2RL1	chr5:76114832-76131140	0	0	0	1
XLOC_017201	S100Z	chr5:76145825-76217056	0	0	0	1
XLOC_017202	CRHBP	chr5:76248679-76265299	0	0	0	1
XLOC_017213	SPZ1	chr5:79615789-79617660	0	0	0	1
XLOC_017218	RNU5E-1	chr5:80256507-81047072	0	0	0	1
XLOC_017223	MIR3977	chr5:82135973-82136043	0	0	0	1
XLOC_017225	VCAN	chr5:82767492-82878122	0	0	0	1
XLOC_017226	NBPF22P	chr5:85578261-85593365	0	0	0	1
XLOC_017228	MIR3607	chr5:85913783-85916583	0	0	0	1
XLOC_017235	MIR548AO	chr5:92919042-93447404	0	0	0	1
XLOC_017239	GPR150	chr5:94955979-94957284	0	0	0	1
XLOC_017243	MIR583	chr5:95414841-95414916	0	0	0	1
XLOC_017253	RAB9BP1	chr5:104435174-104435799	0	0	0	1
XLOC_017256	LOC100289673	chr5:109218882-109221200	0	0	0	1
XLOC_017260	CAMK4	chr5:110559946-110820748	0	0	0	1
XLOC_017262	NREP-AS1	chr5:110834021-111353003	0	0	0	1
XLOC_017264	SNORA13	chr5:111496222-111498198	0	0	0	1
XLOC_017265	FLJ11235	chr5:111755279-111756677	0	0	0	1
XLOC_017270	KCNN2	chr5:113698015-113832197	0	0	0	1
XLOC_017273	ARL14EPL	chr5:115387162-115394827	0	0	0	1
XLOC_017276	MIR1244-2	chr5:118172568-118324240	0	0	0	1
XLOC_017281	PRR16	chr5:119800018-120022964	0	0	0	1
XLOC_017282	FTMT	chr5:121187649-121188523	0	0	0	1
XLOC_017291	GRAMD3	chr5:125695787-125829853	0	0	0	1
XLOC_017295	MEGF10	chr5:126626455-126796910	0	0	0	1
XLOC_017297	CTXN3	chr5:126984712-126994322	0	0	0	1
XLOC_017299	SLC27A6	chr5:128301209-128369335	0	0	0	1
XLOC_017301	MIR4633	chr5:128430441-128449719	0	0	0	1
XLOC_017302	ADAMTS19	chr5:128796102-129074376	0	0	0	1
XLOC_017303	KIAA1024L	chr5:129083883-129100756	0	0	0	1
XLOC_017304	CHSY3	chr5:129240522-129522327	0	0	0	1
XLOC_017307	IL3	chr5:131396346-131398896	0	0	0	1
XLOC_017309	PDLIM4	chr5:131593350-131609147	0	0	0	1
XLOC_017315	IL4	chr5:132009677-132018370	0	0	0	1
XLOC_017334	FBXL21	chr5:135266005-135277367	0	0	0	1
XLOC_017337	NPY6R	chr5:137136881-137146439	0	0	0	1
XLOC_017340	WNT8A	chr5:137419773-137427199	0	0	0	1
XLOC_017365	VTRNA1-2	chr5:140098510-140098598	0	0	0	1
XLOC_017368	PCDHB1	chr5:140430978-140433512	0	0	0	1
XLOC_017374	PCDHB17	chr5:140535579-140537990	0	0	0	1
XLOC_017395	MIR5197	chr5:143059424-143059536	0	0	0	1
XLOC_017396	HMH1	chr5:143191725-143200284	0	0	0	1
XLOC_017402	STK32A	chr5:146614578-146763768	0	0	0	1
XLOC_017403	JAKMIP2-AS1	chr5:146939556-147162411	0	0	0	1
XLOC_017404	SCGB3A2	chr5:147258273-147261756	0	0	0	1
XLOC_017405	SPINK5	chr5:147443534-147516925	0	0	0	1
XLOC_017406	SPINK14	chr5:147549295-147554961	0	0	0	1

XLOC_017407	SPINK6	chr5:147582356-147594700	0	0	0	1
XLOC_017408	SPINK13	chr5:147648422-147665773	0	0	0	1
XLOC_017409	SPINK7	chr5:147691989-147695481	0	0	0	1
XLOC_017410	SPINK9	chr5:147715121-147719412	0	0	0	1
XLOC_017422	CDX1	chr5:149546343-149564121	0	0	0	1
XLOC_017434	GRIA1	chr5:152870083-153193429	0	0	0	1
XLOC_017442	SGCD	chr5:155753766-156194798	0	0	0	1
XLOC_017444	ITK	chr5:156607906-156682109	0	0	0	1
XLOC_017446	NIPAL4	chr5:156887026-156901730	0	0	0	1
XLOC_017447	C5orf52	chr5:157098560-157107162	0	0	0	1
XLOC_017452	ADRA1B	chr5:159343739-159400017	0	0	0	1
XLOC_017456	MIR3142	chr5:159901408-159901490	0	0	0	1
XLOC_017457	MIR146A	chr5:159912358-159912457	0	0	0	1
XLOC_017458	GABRA6	chr5:161112657-161129598	0	0	0	1
XLOC_017459	GABRA1	chr5:161274196-161326965	0	0	0	1
XLOC_017460	GABRG2	chr5:161494647-161582545	0	0	0	1
XLOC_017468	MIR103B1	chr5:167982627-168006614	0	0	0	1
XLOC_017470	DOCK2	chr5:169064250-169510386	0	0	0	1
XLOC_017471	MIR378E	chr5:169064250-169510386	0	0	0	1
XLOC_017472	FOXI1	chr5:169532916-169536729	0	0	0	1
XLOC_017473	C5orf58	chr5:169659949-169673235	0	0	0	1
XLOC_017475	KCNIP1	chr5:169780880-170163636	0	0	0	1
XLOC_017476	GABRP	chr5:170210722-170241050	0	0	0	1
XLOC_017478	TLX3	chr5:170736287-170739138	0	0	0	1
XLOC_017491	C5orf47	chr5:173416161-173433143	0	0	0	1
XLOC_017492	HMP19	chr5:173472606-173536182	0	0	0	1
XLOC_017496	HRH2	chr5:175085039-175113245	0	0	0	1
XLOC_017497	CPLX2	chr5:175223609-175311023	0	0	0	1
XLOC_017498	FAM153B	chr5:175490711-175541801	0	0	0	1
XLOC_017499	LOC100507387	chr5:175546551-175552168	0	0	0	1
XLOC_017505	EIF4E1B	chr5:176057682-176073642	0	0	0	1
XLOC_017526	ZNF879	chr5:178450775-178461388	0	0	0	1
XLOC_017527	ZNF354C	chr5:178487606-178507691	0	0	0	1
XLOC_017534	LINC00847	chr5:180256953-180262726	0	0	0	1
XLOC_017536	BTNL3	chr5:180415844-180433727	0	0	0	1
XLOC_017538	OR2V2	chr5:180581942-180582890	0	0	0	1
XLOC_017540	LOC100132062,LOC100132062	chr5:180750506-180755196	0	0	0	1
XLOC_017541	OR4F3	chr5:180794287-180795226	0	0	0	1
XLOC_017546	MIR4456	chr5:535954-535997	0	0	0	1
XLOC_017550	LOC100506688	chr5:988424-997455	0	0	0	1
XLOC_017552	MIR4635	chr5:1050488-1112172	0	0	0	1
XLOC_017554	MIR4457	chr5:1309424-1309492	0	0	0	1
XLOC_017560	MIR4277	chr5:1708899-1708983	0	0	0	1
XLOC_017562	IRX4	chr5:1877540-1882880	0	0	0	1
XLOC_017564	LOC285577	chr5:3417265-3536208	0	0	0	1
XLOC_017568	MIR4278	chr5:6827965-6828034	0	0	0	1
XLOC_017569	MIR4454	chr5:7269415-7269467	0	0	0	1
XLOC_017571	C5orf49	chr5:7830490-7851603	0	0	0	1
XLOC_017573	LOC729506	chr5:8333595-8457677	0	0	0	1

XLOC_017575	MIR4636	chr5:9035137-9546233	0	0	0	1
XLOC_017576	TAS2R1	chr5:9629108-9630463	0	0	0	1
XLOC_017577	LOC285692	chr5:9641426-9903936	0	0	0	1
XLOC_017581	CTNND2	chr5:10971951-11904110	0	0	0	1
XLOC_017584	MIR4637	chr5:14704908-14871887	0	0	0	1
XLOC_017585	MARCH11	chr5:16067473-16179897	0	0	0	1
XLOC_017589	LOC285696	chr5:17130136-17276954	0	0	0	1
XLOC_017590	LOC401177	chr5:17379014-17387419	0	0	0	1
XLOC_017591	CDH18	chr5:19473154-19988353	0	0	0	1
XLOC_017593	CDH10	chr5:24487208-24645085	0	0	0	1
XLOC_017594	LOC340107	chr5:24835388-24840692	0	0	0	1
XLOC_017595	CDH9	chr5:26880708-27038689	0	0	0	1
XLOC_017597	MIR4279	chr5:31799030-32111038	0	0	0	1
XLOC_017601	ADAMTS12	chr5:33527286-33892124	0	0	0	1
XLOC_017606	PRLR	chr5:35048860-35230823	0	0	0	1
XLOC_017607	CAPSL	chr5:35904397-35938881	0	0	0	1
XLOC_017608	UGT3A1	chr5:35953190-36001130	0	0	0	1
XLOC_017609	UGT3A2	chr5:36035118-36067023	0	0	0	1
XLOC_017611	MIR580	chr5:36103413-36152015	0	0	0	1
XLOC_017618	EGFLAM-AS4	chr5:38258510-38465582	0	0	0	1
XLOC_017619	LIFR	chr5:38475064-38595507	0	0	0	1
XLOC_017620	MIR3650	chr5:38475064-38595507	0	0	0	1
XLOC_017622	FYB	chr5:39105353-39270759	0	0	0	1
XLOC_017623	C9	chr5:39284377-39364655	0	0	0	1
XLOC_017629	SNORD72	chr5:40831429-40835387	0	0	0	1
XLOC_017630	MROH2B	chr5:40998121-41071444	0	0	0	1
XLOC_017631	C6	chr5:41142247-41261540	0	0	0	1
XLOC_017632	PLCXD3	chr5:41307047-41510730	0	0	0	1
XLOC_017639	CCL28	chr5:43381599-43412488	0	0	0	1
XLOC_017643	LOC100652772	chr5:43573286-43705668	0	0	0	1
XLOC_017644	FGF10	chr5:44305096-44388784	0	0	0	1
XLOC_017645	HCN1	chr5:45255051-45696220	0	0	0	1
XLOC_017650	MIR581	chr5:53180613-53606403	0	0	0	1
XLOC_017651	ESM1	chr5:54273694-54281414	0	0	0	1
XLOC_017653	MIR449A	chr5:54408798-54469005	0	0	0	1
XLOC_017654	MIR449B	chr5:54408798-54469005	0	0	0	1
XLOC_017655	MIR449C	chr5:54408798-54469005	0	0	0	1
XLOC_017660	MIR5687	chr5:54603575-54830873	0	0	0	1
XLOC_017664	ANKRD55	chr5:55395506-55529186	0	0	0	1
XLOC_017666	ACTBL2	chr5:56775842-56778636	0	0	0	1
XLOC_017674	HTR1A	chr5:63255874-63258119	0	0	0	1
XLOC_017681	CD180	chr5:66478103-66492617	0	0	0	1
XLOC_017693	ZNF366	chr5:71739233-71803249	0	0	0	1
XLOC_017707	OTP	chr5:76924536-76934522	0	0	0	1
XLOC_017716	LOC644936	chr5:79594916-79596297	0	0	0	1
XLOC_017718	ANKRD34B	chr5:79852573-79866304	0	0	0	1
XLOC_017722	ACOT12	chr5:80256507-81047072	0	0	0	1
XLOC_017727	HAPLN1	chr5:82934016-83016896	0	0	0	1
XLOC_017728	EDIL3	chr5:83238125-83680611	0	0	0	1

XLOC_017729	MIR4280	chr5:86410695-86410771	0	0	0	1
XLOC_017732	LINC00461,MIR9-	chr5:87836596-87980620	0	0	0	1
XLOC_017734	MIR3660	chr5:89312437-89312537	0	0	0	1
XLOC_017750	LIX1	chr5:96427573-96478520	0	0	0	1
XLOC_017754	LOC100133050	chr5:99715208-99723958	0	0	0	1
XLOC_017756	SLCO4C1	chr5:101569691-101632253	0	0	0	1
XLOC_017757	SLCO6A1	chr5:101707651-101834720	0	0	0	1
XLOC_017770	TSSK1B	chr5:112312406-112824527	0	0	0	1
XLOC_017781	MGC32805	chr5:121647819-121814782	0	0	0	1
XLOC_017784	ZNF608	chr5:123972609-124080805	0	0	0	1
XLOC_017789	FBN2	chr5:127593600-127873735	0	0	0	1
XLOC_017790	MIR4460	chr5:128732754-128732840	0	0	0	1
XLOC_017797	MIR3936	chr5:131630144-131731306	0	0	0	1
XLOC_017807	MIR1289-2	chr5:132532151-132948223	0	0	0	1
XLOC_017816	LOC340073	chr5:134571923-134583867	0	0	0	1
XLOC_017818	C5orf20	chr5:134779903-134783038	0	0	0	1
XLOC_017819	TIFAB	chr5:134784557-134788089	0	0	0	1
XLOC_017820	NEUROG1	chr5:134869971-134871639	0	0	0	1
XLOC_017821	CXCL14	chr5:134906370-134914969	0	0	0	1
XLOC_017822	LOC340074	chr5:134984371-134989624	0	0	0	1
XLOC_017823	IL9	chr5:135227934-135231516	0	0	0	1
XLOC_017824	LECT2	chr5:135282599-135290723	0	0	0	1
XLOC_017825	VTRNA2-1	chr5:135416186-135416286	0	0	0	1
XLOC_017828	TRPC7	chr5:135548998-135701164	0	0	0	1
XLOC_017830	KLHL3	chr5:136953188-137071779	0	0	0	1
XLOC_017831	MIR874	chr5:136953188-137071779	0	0	0	1
XLOC_017841	SNORD63	chr5:137890570-137911318	0	0	0	1
XLOC_017851	NRG2	chr5:139226363-139422884	0	0	0	1
XLOC_017867	LOC729080	chr5:141275190-141276260	0	0	0	1
XLOC_017872	ARHGAP26-AS1	chr5:142150291-142608572	0	0	0	1
XLOC_017873	NR3C1	chr5:142657495-142815077	0	0	0	1
XLOC_017876	GRXCR2	chr5:145239295-145252531	0	0	0	1
XLOC_017879	GPR151	chr5:145894416-145895676	0	0	0	1
XLOC_017880	PPP2R2B	chr5:145969066-146461083	0	0	0	1
XLOC_017881	PPP2R2B-IT1	chr5:145969066-146461083	0	0	0	1
XLOC_017882	DPYSL3	chr5:146770370-146889619	0	0	0	1
XLOC_017883	JAKMIP2	chr5:146939556-147162411	0	0	0	1
XLOC_017885	C5orf46	chr5:147272270-147286101	0	0	0	1
XLOC_017886	HTR4	chr5:147830594-148033739	0	0	0	1
XLOC_017894	CAMK2A	chr5:149599053-149669403	0	0	0	1
XLOC_017901	ZNF300P1	chr5:150309997-150326146	0	0	0	1
XLOC_017905	SLC36A3	chr5:150655925-150683334	0	0	0	1
XLOC_017908	SPARC	chr5:151040656-151066615	0	0	0	1
XLOC_017910	GLRA1	chr5:151202073-151304397	0	0	0	1
XLOC_017911	NMUR2	chr5:151771101-151784840	0	0	0	1
XLOC_017914	HAND1	chr5:153854531-153857824	0	0	0	1
XLOC_017915	MIR3141	chr5:153975571-153975632	0	0	0	1
XLOC_017918	TIMD4	chr5:156346292-156390266	0	0	0	1
XLOC_017919	HAVCR1	chr5:156456530-156485970	0	0	0	1

XLOC_017922	FAM71B	chr5:156589343-156593279	0	0	0	1
XLOC_017923	FNDC9	chr5:156693090-156822606	0	0	0	1
XLOC_017929	IL12B	chr5:158741790-158757481	0	0	0	1
XLOC_017930	LOC285627	chr5:158875563-158893284	0	0	0	1
XLOC_017936	ATP10B	chr5:159990126-160279219	0	0	0	1
XLOC_017937	LOC285629	chr5:160358785-160365633	0	0	0	1
XLOC_017938	GABRB2	chr5:160715435-160975130	0	0	0	1
XLOC_017941	MIR103A1	chr5:167982627-168006614	0	0	0	1
XLOC_017942	SLIT3	chr5:168088737-168728133	0	0	0	1
XLOC_017943	MIR218-2	chr5:168088737-168728133	0	0	0	1
XLOC_017944	MIR585	chr5:168088737-168728133	0	0	0	1
XLOC_017945	FAM196B	chr5:169064250-169510386	0	0	0	1
XLOC_017946	LCP2	chr5:169675087-169724822	0	0	0	1
XLOC_017947	KCNMB1	chr5:169780880-170163636	0	0	0	1
XLOC_017948	MIR3912	chr5:170813659-170813764	0	0	0	1
XLOC_017956	STC2	chr5:172741725-172756506	0	0	0	1
XLOC_017958	FLJ16171	chr5:174346084-174422734	0	0	0	1
XLOC_017959	DRD1	chr5:174867674-174871163	0	0	0	1
XLOC_017967	SNCB	chr5:176047209-176057557	0	0	0	1
XLOC_017968	MIR4281	chr5:176047209-176057557	0	0	0	1
XLOC_017974	PFN3	chr5:176827107-176827637	0	0	0	1
XLOC_017983	FAM153A	chr5:177150364-177207505	0	0	0	1
XLOC_017998	MIR1229	chr5:179224597-179285840	0	0	0	1
XLOC_018002	MIR340	chr5:179382473-179499109	0	0	0	1
XLOC_018003	RASGEF1C	chr5:179527794-179636130	0	0	0	1
XLOC_018006	SCGB3A1	chr5:180017104-180018487	0	0	0	1
XLOC_018008	OR2Y1	chr5:180166122-180167058	0	0	0	1
XLOC_018012	OR2V1	chr5:180551356-180552304	0	0	0	1
XLOC_018014	MIR4638	chr5:180649565-180649633	0	0	0	1
XLOC_018016	SNORD96A	chr5:180663927-180670906	0	0	0	1
XLOC_018021	FOXQ1	chr6:1312674-1314993	0	0	0	1
XLOC_018022	FOXF2	chr6:1390068-1395832	0	0	0	1
XLOC_018031	FAM50B	chr6:3849631-3851551	0	0	0	1
XLOC_018035	PPP1R3G	chr6:5085719-5087455	0	0	0	1
XLOC_018037	LY86	chr6:6346697-6655216	0	0	0	1
XLOC_018047	MIR5689	chr6:10439949-10440027	0	0	0	1
XLOC_018053	ELOVL2-AS1	chr6:10980992-11079377	0	0	0	1
XLOC_018055	TMEM170B	chr6:11538459-11583757	0	0	0	1
XLOC_018061	RNF182	chr6:13924676-13980240	0	0	0	1
XLOC_018065	MIR4639	chr6:16129316-16148478	0	0	0	1
XLOC_018067	STMND1	chr6:17102488-17131603	0	0	0	1
XLOC_018068	RBM24	chr6:17281808-17294099	0	0	0	1
XLOC_018073	MIR548A1	chr6:18572014-18572111	0	0	0	1
XLOC_018074	ID4	chr6:19837600-19842431	0	0	0	1
XLOC_018078	LINC00340	chr6:21666674-22194616	0	0	0	1
XLOC_018079	HDGFL1	chr6:22569677-22570750	0	0	0	1
XLOC_018087	SCGN	chr6:25652428-25702008	0	0	0	1
XLOC_018088	HIST1H2BA	chr6:25727136-25727573	0	0	0	1
XLOC_018089	HIST1H2APS1	chr6:25732660-25733089	0	0	0	1

XLOC_018090	SLC17A4	chr6:25754926-25781403	0	0	0	1
XLOC_018094	HIST1H3C	chr6:26045638-26046097	0	0	0	1
XLOC_018105	HIST1H4F	chr6:26240653-26241021	0	0	0	1
XLOC_018114	BTN1A1	chr6:26501494-26510652	0	0	0	1
XLOC_018122	MIR3143	chr6:27115404-27115467	0	0	0	1
XLOC_018133	HIST1H2AL	chr6:27833106-27833576	0	0	0	1
XLOC_018145	GPX5	chr6:28493788-28502728	0	0	0	1
XLOC_018146	LOC100129636	chr6:29003999-29044517	0	0	0	1
XLOC_018147	OR2J3	chr6:29079667-29080603	0	0	0	1
XLOC_018148	OR2J2	chr6:29141310-29142351	0	0	0	1
XLOC_018149	OR14J1	chr6:29274466-29275432	0	0	0	1
XLOC_018150	OR12D2	chr6:29364415-29365448	0	0	0	1
XLOC_018151	OR10C1	chr6:29407715-29408754	0	0	0	1
XLOC_018153	LOC100507362	chr6:29497182-29501345	0	0	0	1
XLOC_018154	SNORD32B	chr6:29550028-29550105	0	0	0	1
XLOC_018156	MOG	chr6:29624757-29640149	0	0	0	1
XLOC_018167	TRIM15	chr6:30130982-30140473	0	0	0	1
XLOC_018173	MIR877	chr6:30539169-30559309	0	0	0	1
XLOC_018179	MIR4640	chr6:30851860-30867933	0	0	0	1
XLOC_018182	DPCR1	chr6:30908776-30921998	0	0	0	1
XLOC_018183	MUC21	chr6:30951484-30957675	0	0	0	1
XLOC_018184	MUC22	chr6:30973728-31003179	0	0	0	1
XLOC_018185	HCG22	chr6:31021226-31027655	0	0	0	1
XLOC_018191	HCG26	chr6:31439005-31440185	0	0	0	1
XLOC_018196	TNF	chr6:31543343-31546112	0	0	0	1
XLOC_018198	AIF1	chr6:31582993-31584798	0	0	0	1
XLOC_018204	LY6G6F	chr6:31674683-31678372	0	0	0	1
XLOC_018205	LY6G6D	chr6:31683132-31685581	0	0	0	1
XLOC_018211	SNORD48	chr6:31802692-31807541	0	0	0	1
XLOC_018212	SNORD52	chr6:31802692-31807541	0	0	0	1
XLOC_018214	CFB	chr6:31913720-31919861	0	0	0	1
XLOC_018219	STK19	chr6:31981517-31981961	0	0	0	1
XLOC_018224	HCG23	chr6:32358286-32361468	0	0	0	1
XLOC_018225	HLA-DRA	chr6:32407618-32412826	0	0	0	1
XLOC_018226	HLA-DQA1	chr6:32605182-32611429	0	0	0	1
XLOC_018227	HLA-DQA2	chr6:32709162-32714664	0	0	0	1
XLOC_018232	HLA-DPB1	chr6:33032345-33057473	0	0	0	1
XLOC_018233	HLA-DPB2	chr6:33080292-33096890	0	0	0	1
XLOC_018236	MIR219-1	chr6:33175611-33175721	0	0	0	1
XLOC_018260	CLPSL2	chr6:35744391-35747329	0	0	0	1
XLOC_018261	CLPSL1	chr6:35748830-35755841	0	0	0	1
XLOC_018272	PI16	chr6:36916038-36932613	0	0	0	1
XLOC_018273	FGD2	chr6:36973422-36996845	0	0	0	1
XLOC_018279	DNAH8	chr6:38683116-38998574	0	0	0	1
XLOC_018280	GLP1R	chr6:39016556-39055520	0	0	0	1
XLOC_018281	DAAM2	chr6:39760158-39902290	0	0	0	1
XLOC_018282	TDRG1	chr6:40346162-40347631	0	0	0	1
XLOC_018283	TSPO2	chr6:41010236-41012076	0	0	0	1
XLOC_018286	TREML4	chr6:41196061-41206120	0	0	0	1

XLOC_018287	TREML5P	chr6:41217114-41217327	0	0	0	1
XLOC_018288	NCR2	chr6:41303527-41318625	0	0	0	1
XLOC_018290	MIR4641	chr6:41514163-41570122	0	0	0	1
XLOC_018298	ATP6V0CP3	chr6:42695313-42695932	0	0	0	1
XLOC_018301	PTCRA	chr6:42883726-42893575	0	0	0	1
XLOC_018312	SLC22A7	chr6:43265997-43276530	0	0	0	1
XLOC_018327	SPATS1	chr6:44310396-44344904	0	0	0	1
XLOC_018329	MIR4642	chr6:44355250-44418161	0	0	0	1
XLOC_018334	ANKRD66	chr6:46714653-46726954	0	0	0	1
XLOC_018335	MEP1A	chr6:46761093-46807519	0	0	0	1
XLOC_018337	GPR111	chr6:47624325-47665533	0	0	0	1
XLOC_018339	OPN5	chr6:47749774-47794116	0	0	0	1
XLOC_018341	GLYATL3	chr6:49467670-49495777	0	0	0	1
XLOC_018343	TFAP2D	chr6:50681256-50740746	0	0	0	1
XLOC_018344	TFAP2B	chr6:50786438-50815326	0	0	0	1
XLOC_018345	MIR206	chr6:52009146-52009232	0	0	0	1
XLOC_018346	MIR133B	chr6:52013720-52013839	0	0	0	1
XLOC_018347	IL17A	chr6:52051184-52055436	0	0	0	1
XLOC_018353	MIR5685	chr6:53132195-53213977	0	0	0	1
XLOC_018355	MLIP-IT1	chr6:53863687-53871950	0	0	0	1
XLOC_018357	TINAG	chr6:54173202-54254950	0	0	0	1
XLOC_018359	HCRTR2	chr6:55039070-55147418	0	0	0	1
XLOC_018361	BEND6	chr6:56819772-56892142	0	0	0	1
XLOC_018369	SLC25A51P1	chr6:66497771-66499376	0	0	0	1
XLOC_018370	BAI3	chr6:69345631-70099403	0	0	0	1
XLOC_018371	COL19A1	chr6:70576447-70922157	0	0	0	1
XLOC_018372	FAM135A	chr6:71123106-71270877	0	0	0	1
XLOC_018377	KCNQ5	chr6:73331570-73908573	0	0	0	1
XLOC_018378	KHDC3L	chr6:74072399-74073898	0	0	0	1
XLOC_018388	RNY4	chr6:80451635-80451669	0	0	0	1
XLOC_018394	PRSS35	chr6:84222193-84235421	0	0	0	1
XLOC_018395	RIPPLY2	chr6:84562984-84567234	0	0	0	1
XLOC_018399	HTR1E	chr6:87647023-87726397	0	0	0	1
XLOC_018407	SPACA1	chr6:88757506-88776550	0	0	0	1
XLOC_018412	GJA10	chr6:90604187-90605819	0	0	0	1
XLOC_018413	MIR4464	chr6:91022460-91022552	0	0	0	1
XLOC_018414	MIR4643	chr6:92231377-92231455	0	0	0	1
XLOC_018417	FUT9	chr6:96463844-96663488	0	0	0	1
XLOC_018419	FHL5	chr6:97010423-97064512	0	0	0	1
XLOC_018421	MIR2113	chr6:98472406-98472495	0	0	0	1
XLOC_018422	POU3F2	chr6:99282579-99286666	0	0	0	1
XLOC_018424	PRDM13	chr6:100054649-100063454	0	0	0	1
XLOC_018425	LOC728012	chr6:100367785-100524295	0	0	0	1
XLOC_018427	LIN28B	chr6:105404922-105531207	0	0	0	1
XLOC_018428	BVES-AS1	chr6:105585561-105627858	0	0	0	1
XLOC_018440	CCDC162P	chr6:109615505-109629423	0	0	0	1
XLOC_018443	GPR6	chr6:110300297-110301924	0	0	0	1
XLOC_018453	RFPL4B	chr6:112668531-112672498	0	0	0	1
XLOC_018455	FLJ34503	chr6:114225550-114242806	0	0	0	1

XLOC_018459	FAM26F	chr6:116782532-116784934	0	0	0	1
XLOC_018460	FAM26E	chr6:116817650-116880031	0	0	0	1
XLOC_018461	FAM26D	chr6:116817650-116880031	0	0	0	1
XLOC_018465	RFX6	chr6:117198375-117253326	0	0	0	1
XLOC_018466	VGLL2	chr6:117586720-117594728	0	0	0	1
XLOC_018472	LOC100287632	chr6:119103870-119104581	0	0	0	1
XLOC_018474	GJA1	chr6:121756744-121770873	0	0	0	1
XLOC_018477	FABP7	chr6:123100645-123105218	0	0	0	1
XLOC_018479	CLVS2	chr6:123317581-123385063	0	0	0	1
XLOC_018480	NKAIN2	chr6:124125068-125146786	0	0	0	1
XLOC_018483	LOC643623	chr6:125995498-126041364	0	0	0	1
XLOC_018484	HEY2	chr6:126070731-126082415	0	0	0	1
XLOC_018489	RSPO3	chr6:127440047-127518184	0	0	0	1
XLOC_018494	TMEM200A	chr6:130687425-130764210	0	0	0	1
XLOC_018500	LOC100507254	chr6:132455117-132490514	0	0	0	1
XLOC_018501	TAAR9	chr6:132859426-132860475	0	0	0	1
XLOC_018502	TAAR8	chr6:132873831-132874860	0	0	0	1
XLOC_018503	TAAR6	chr6:132891460-132892498	0	0	0	1
XLOC_018505	SNORD101	chr6:133135707-133138703	0	0	0	1
XLOC_018508	LINC00326	chr6:133409218-133427717	0	0	0	1
XLOC_018509	EYA4	chr6:133562494-133853258	0	0	0	1
XLOC_018510	MGC34034	chr6:134142284-134175130	0	0	0	1
XLOC_018511	TCF21	chr6:134210258-134216675	0	0	0	1
XLOC_018513	LOC154092	chr6:134758853-134825158	0	0	0	1
XLOC_018515	LINC00271	chr6:135818938-136011976	0	0	0	1
XLOC_018527	LOC100132735	chr6:140092209-140181608	0	0	0	1
XLOC_018528	MIR3668	chr6:140526388-140526463	0	0	0	1
XLOC_018529	MIR4465	chr6:141004950-141005020	0	0	0	1
XLOC_018536	ZC2HC1B	chr6:144185572-144259483	0	0	0	1
XLOC_018541	RAB32	chr6:146864827-146876086	0	0	0	1
XLOC_018542	ADGB	chr6:146920135-147136597	0	0	0	1
XLOC_018554	PPP1R14C	chr6:150464187-150571528	0	0	0	1
XLOC_018555	IYD	chr6:150690027-150725765	0	0	0	1
XLOC_018556	PLEKHG1	chr6:150920998-151164799	0	0	0	1
XLOC_018561	ESR1	chr6:152011630-152424408	0	0	0	1
XLOC_018564	OPRM1	chr6:154331630-154677900	0	0	0	1
XLOC_018570	MIR3692	chr6:157802556-158094977	0	0	0	1
XLOC_018573	SYNJ2-IT1	chr6:158402887-158520207	0	0	0	1
XLOC_018579	FNDC1	chr6:159590428-159693140	0	0	0	1
XLOC_018584	MAS1	chr6:160327973-160329107	0	0	0	1
XLOC_018593	LINC00602	chr6:166337535-166403103	0	0	0	1
XLOC_018597	TCP10L2	chr6:167584080-167596396	0	0	0	1
XLOC_018598	UNC93A	chr6:167704802-167729502	0	0	0	1
XLOC_018599	TTLL2	chr6:167738573-167756177	0	0	0	1
XLOC_018601	KIF25	chr6:168418552-168445769	0	0	0	1
XLOC_018607	MIR4644	chr6:170615843-170714237	0	0	0	1
XLOC_018611	LOC285768	chr6:961240-1101567	0	0	0	1
XLOC_018616	MIR4645	chr6:2854264-2854341	0	0	0	1
XLOC_018622	LOC100507194	chr6:3183051-3196001	0	0	0	1

XLOC_018625	PXDC1	chr6:3722835-3752246	0	0	0	1
XLOC_018626	FAM217A	chr6:4068592-4135831	0	0	0	1
XLOC_018630	MIR3691	chr6:5108652-5261172	0	0	0	1
XLOC_018632	F13A1	chr6:6144310-6320924	0	0	0	1
XLOC_018633	LY86-AS1	chr6:6346697-6655216	0	0	0	1
XLOC_018637	SCARNA27	chr6:7727010-8102828	0	0	0	1
XLOC_018643	GCM2	chr6:10873455-10882098	0	0	0	1
XLOC_018657	NHLRC1	chr6:18120717-18122851	0	0	0	1
XLOC_018661	LOC729177	chr6:21666674-22194616	0	0	0	1
XLOC_018662	PRL	chr6:22287472-22303082	0	0	0	1
XLOC_018669	CMAHP	chr6:25081294-25138620	0	0	0	1
XLOC_018670	HIST1H2AA	chr6:25726290-25726790	0	0	0	1
XLOC_018671	SLC17A1	chr6:25783125-25832287	0	0	0	1
XLOC_018672	SLC17A3	chr6:25845327-25874471	0	0	0	1
XLOC_018673	SLC17A2	chr6:25912983-25930946	0	0	0	1
XLOC_018674	HIST1H1A	chr6:26017259-26018040	0	0	0	1
XLOC_018678	HIST1H2BB	chr6:26043454-26043885	0	0	0	1
XLOC_018680	HIST1H1T	chr6:26107639-26108364	0	0	0	1
XLOC_018686	HIST1H4G	chr6:26246838-26247205	0	0	0	1
XLOC_018696	POM121L2	chr6:27276841-27280011	0	0	0	1
XLOC_018703	HIST1H1B	chr6:27834569-27835359	0	0	0	1
XLOC_018705	HIST1H4L	chr6:27840925-27841289	0	0	0	1
XLOC_018708	OR2B2	chr6:27878962-27880174	0	0	0	1
XLOC_018713	ZSCAN23	chr6:28400431-28411279	0	0	0	1
XLOC_018714	GPX6	chr6:28471072-28483570	0	0	0	1
XLOC_018718	ZNF311	chr6:28962593-28973037	0	0	0	1
XLOC_018719	OR2W1	chr6:29003999-29044517	0	0	0	1
XLOC_018720	OR2B3	chr6:29053984-29055090	0	0	0	1
XLOC_018721	OR5V1	chr6:29323006-29324054	0	0	0	1
XLOC_018722	OR12D3	chr6:29341199-29343068	0	0	0	1
XLOC_018723	OR11A1	chr6:29393280-29395509	0	0	0	1
XLOC_018724	MAS1L	chr6:29454542-29455679	0	0	0	1
XLOC_018727	ZFP57	chr6:29640168-29644931	0	0	0	1
XLOC_018730	HCG4	chr6:29758807-29765584	0	0	0	1
XLOC_018735	TRIM10	chr6:30119722-30128711	0	0	0	1
XLOC_018747	SFTA2	chr6:30899126-30899952	0	0	0	1
XLOC_018753	PSORS1C3	chr6:31141511-31145676	0	0	0	1
XLOC_018758	SNORD84	chr6:31496738-31514625	0	0	0	1
XLOC_018759	LTB	chr6:31548335-31550202	0	0	0	1
XLOC_018760	NCR3	chr6:31553955-31560762	0	0	0	1
XLOC_018766	MIR4646	chr6:31654725-31671137	0	0	0	1
XLOC_018767	LY6G6E	chr6:31679752-31681842	0	0	0	1
XLOC_018780	MIR1236	chr6:31919863-31937532	0	0	0	1
XLOC_018782	TNXB	chr6:31973358-31981050	0	0	0	1
XLOC_018792	C6orf10	chr6:32260474-32339656	0	0	0	1
XLOC_018793	BTNL2	chr6:32362512-32374900	0	0	0	1
XLOC_018797	HLA-DQB1	chr6:32627240-32634466	0	0	0	1
XLOC_018798	HLA-DQB2	chr6:32723874-32731330	0	0	0	1
XLOC_018805	HLA-DOA	chr6:32971959-32977389	0	0	0	1

XLOC_018818	IP6K3	chr6:33689442-33714762	0	0	0	1
XLOC_018820	MLN	chr6:33762448-33771793	0	0	0	1
XLOC_018821	LOC100507584	chr6:33857287-33864684	0	0	0	1
XLOC_018822	MIR1275	chr6:33967748-33967828	0	0	0	1
XLOC_018823	GRM4	chr6:33989622-34123399	0	0	0	1
XLOC_018833	MIR5690	chr6:35541361-35704724	0	0	0	1
XLOC_018834	CLPS	chr6:35762758-35765121	0	0	0	1
XLOC_018837	C6orf222	chr6:36283534-36304662	0	0	0	1
XLOC_018838	ETV7	chr6:36321997-36355577	0	0	0	1
XLOC_018841	MIR3925	chr6:36590212-36590289	0	0	0	1
XLOC_018847	MIR4462	chr6:37523140-37523198	0	0	0	1
XLOC_018848	MDGA1	chr6:37600283-37665766	0	0	0	1
XLOC_018851	LOC100131047	chr6:38683116-38998574	0	0	0	1
XLOC_018854	KCNK17	chr6:39266776-39282237	0	0	0	1
XLOC_018855	KCNK16	chr6:39282473-39290330	0	0	0	1
XLOC_018856	KIF6	chr6:39302875-39693181	0	0	0	1
XLOC_018857	MOCS1	chr6:39760158-39902290	0	0	0	1
XLOC_018858	FLJ41649	chr6:40312083-40323745	0	0	0	1
XLOC_018859	LRFN2	chr6:40359372-40555126	0	0	0	1
XLOC_018862	TREML1	chr6:41116998-41122087	0	0	0	1
XLOC_018864	TREML2	chr6:41157551-41168925	0	0	0	1
XLOC_018865	TREML3P	chr6:41176291-41185685	0	0	0	1
XLOC_018868	PGC	chr6:41704448-41715139	0	0	0	1
XLOC_018899	MIR586	chr6:44794466-45518819	0	0	0	1
XLOC_018900	CLIC5	chr6:45866189-46048085	0	0	0	1
XLOC_018904	PLA2G7	chr6:46655611-46703430	0	0	0	1
XLOC_018905	GPR116	chr6:46820241-46922675	0	0	0	1
XLOC_018906	GPR110	chr6:46967812-47010082	0	0	0	1
XLOC_018910	RHAG	chr6:49572889-49604587	0	0	0	1
XLOC_018911	CRISP2	chr6:49660070-49681303	0	0	0	1
XLOC_018912	CRISP3	chr6:49695091-49712168	0	0	0	1
XLOC_018913	PGK2	chr6:49753363-49755053	0	0	0	1
XLOC_018914	CRISP1	chr6:49801978-49844809	0	0	0	1
XLOC_018915	DEFB133	chr6:49913813-49917157	0	0	0	1
XLOC_018916	DEFB114	chr6:49928004-49931818	0	0	0	1
XLOC_018917	DEFB113	chr6:49936389-49937338	0	0	0	1
XLOC_018918	DEFB110	chr6:49976850-49989694	0	0	0	1
XLOC_018919	DEFB112	chr6:50011287-50016364	0	0	0	1
XLOC_018920	PKHD1	chr6:51480144-51952423	0	0	0	1
XLOC_018924	GSTA7P	chr6:52604260-52609957	0	0	0	1
XLOC_018925	GSTA2	chr6:52614884-52628361	0	0	0	1
XLOC_018926	GSTA1	chr6:52656177-52668664	0	0	0	1
XLOC_018927	GSTA5	chr6:52696540-52710893	0	0	0	1
XLOC_018928	GSTA3	chr6:52761438-52774496	0	0	0	1
XLOC_018932	ELOVL5	chr6:53132195-53213977	0	0	0	1
XLOC_018933	RPS16P5	chr6:53132195-53213977	0	0	0	1
XLOC_018936	HMGCLL1	chr6:55299170-55444012	0	0	0	1
XLOC_018937	BMP5	chr6:55620237-55740375	0	0	0	1
XLOC_018938	COL21A1	chr6:55921387-56112378	0	0	0	1

XLOC_018939	RNU6-71	chr6:56137688-56615138	0	0	0	1
XLOC_018943	KHDRBS2	chr6:62389864-62996100	0	0	0	1
XLOC_018947	COL9A1	chr6:70925742-71012786	0	0	0	1
XLOC_018949	MIR30C2	chr6:72086662-72086734	0	0	0	1
XLOC_018950	MIR30A	chr6:72113253-72113324	0	0	0	1
XLOC_018952	MIR4282	chr6:73331570-73908573	0	0	0	1
XLOC_018953	KCNQ5-AS1	chr6:73331570-73908573	0	0	0	1
XLOC_018954	KHDC1L	chr6:73933267-73935175	0	0	0	1
XLOC_018955	KHDC1	chr6:73951037-74020088	0	0	0	1
XLOC_018956	DPPA5	chr6:74062784-74063999	0	0	0	1
XLOC_018965	IMPG1	chr6:76631061-76782335	0	0	0	1
XLOC_018966	HTR1B	chr6:78171947-78173120	0	0	0	1
XLOC_018970	C6orf7	chr6:80513303-80580137	0	0	0	1
XLOC_018971	ELOVL4	chr6:80624528-80657315	0	0	0	1
XLOC_018976	ME1	chr6:83920109-84140938	0	0	0	1
XLOC_018977	SNAP91	chr6:84262604-84419127	0	0	0	1
XLOC_018979	TBX18	chr6:85442215-85473954	0	0	0	1
XLOC_018984	SNORD50B	chr6:86386724-86388451	0	0	0	1
XLOC_018985	CGA	chr6:87795215-87804865	0	0	0	1
XLOC_018989	CNR1	chr6:88849584-88875767	0	0	0	1
XLOC_018992	GABRR1	chr6:89887222-89941007	0	0	0	1
XLOC_018993	GABRR2	chr6:89966839-90025018	0	0	0	1
XLOC_018995	RRAGD	chr6:90074334-90121995	0	0	0	1
XLOC_019000	EPHA7	chr6:93949739-94129300	0	0	0	1
XLOC_019003	MIR548H3	chr6:97372495-97862283	0	0	0	1
XLOC_019011	MCHR2	chr6:100367785-100524295	0	0	0	1
XLOC_019015	LINC00577	chr6:105384168-105388402	0	0	0	1
XLOC_019017	POPDC3	chr6:105585561-105627858	0	0	0	1
XLOC_019021	LOC100422737	chr6:107165326-107235300	0	0	0	1
XLOC_019024	SCML4	chr6:108023363-108145521	0	0	0	1
XLOC_019035	METTL24	chr6:110567148-110679475	0	0	0	1
XLOC_019036	DDO	chr6:110713382-110736753	0	0	0	1
XLOC_019037	SLC22A16	chr6:110745891-110797844	0	0	0	1
XLOC_019047	HS3ST5	chr6:114376749-114384041	0	0	0	1
XLOC_019052	BET3L	chr6:116817650-116880031	0	0	0	1
XLOC_019054	FAM162B	chr6:117073359-117086886	0	0	0	1
XLOC_019055	GPRC6A	chr6:117113247-117150198	0	0	0	1
XLOC_019056	ROS1	chr6:117609529-117747018	0	0	0	1
XLOC_019060	FAM184A	chr6:119280995-119470358	0	0	0	1
XLOC_019061	MIR548B	chr6:119280995-119470358	0	0	0	1
XLOC_019063	LOC285762	chr6:119773711-119812467	0	0	0	1
XLOC_019066	TRDN	chr6:123537483-123958238	0	0	0	1
XLOC_019069	MIR5695	chr6:126433836-126443762	0	0	0	1
XLOC_019072	THEMIS	chr6:128029338-128239776	0	0	0	1
XLOC_019075	TMEM244	chr6:130152388-130182416	0	0	0	1
XLOC_019076	SAMD3	chr6:130465446-130686570	0	0	0	1
XLOC_019082	MOXD1	chr6:132617193-132722664	0	0	0	1
XLOC_019084	TAAR5	chr6:132909730-132910877	0	0	0	1
XLOC_019085	TAAR3	chr6:132929363-132930441	0	0	0	1

XLOC_019086	TAAR2	chr6:132938288-132945414	0	0	0	1
XLOC_019087	TAAR1	chr6:132966122-132967142	0	0	0	1
XLOC_019088	VNN1	chr6:133001996-133035194	0	0	0	1
XLOC_019089	VNN3	chr6:133043925-133055904	0	0	0	1
XLOC_019090	VNN2	chr6:133065008-133084598	0	0	0	1
XLOC_019097	MIR3662	chr6:135281516-135376036	0	0	0	1
XLOC_019105	IL22RA2	chr6:137464956-137494785	0	0	0	1
XLOC_019107	OLIG3	chr6:137813335-137815531	0	0	0	1
XLOC_019112	MIR3145	chr6:138743180-138893668	0	0	0	1
XLOC_019117	LOC645434	chr6:139790131-139795733	0	0	0	1
XLOC_019118	NMBR	chr6:142396744-142409936	0	0	0	1
XLOC_019119	LOC153910	chr6:142847591-142959026	0	0	0	1
XLOC_019130	LOC729176	chr6:146920135-147136597	0	0	0	1
XLOC_019132	LOC100128176	chr6:149068270-149398126	0	0	0	1
XLOC_019150	IPCEF1	chr6:154331630-154677900	0	0	0	1
XLOC_019153	NOX3	chr6:155716501-155777037	0	0	0	1
XLOC_019154	MIR4466	chr6:157099063-157531913	0	0	0	1
XLOC_019158	MIR3918	chr6:159071045-159185908	0	0	0	1
XLOC_019162	TAGAP	chr6:159456026-159466184	0	0	0	1
XLOC_019169	SLC22A2	chr6:160637793-160679963	0	0	0	1
XLOC_019175	PACRG-AS1	chr6:161768589-163745505	0	0	0	1
XLOC_019176	DKFZp451B082	chr6:163759373-163768065	0	0	0	1
XLOC_019177	CAHM	chr6:163834096-163834982	0	0	0	1
XLOC_019178	C6orf118	chr6:165693152-165723111	0	0	0	1
XLOC_019179	PDE10A	chr6:165740775-166075588	0	0	0	1
XLOC_019180	LINC00473	chr6:166337535-166403103	0	0	0	1
XLOC_019181	T	chr6:166571145-166582157	0	0	0	1
XLOC_019182	PRR18	chr6:166719167-166721871	0	0	0	1
XLOC_019186	RPS6KA2-IT1	chr6:166822853-167275771	0	0	0	1
XLOC_019187	MIR1913	chr6:166822853-167275771	0	0	0	1
XLOC_019189	MIR3939	chr6:167411294-167411400	0	0	0	1
XLOC_019190	GPR31	chr6:167570359-167571319	0	0	0	1
XLOC_019191	TCP10	chr6:167786576-167797998	0	0	0	1
XLOC_019194	HGC6.3	chr6:168376603-168377619	0	0	0	1
XLOC_019195	FRMD1	chr6:168456463-168479839	0	0	0	1
XLOC_019196	DACT2	chr6:168707583-168720402	0	0	0	1
XLOC_019202	LOC154449	chr6:170563421-170571657	0	0	0	1
XLOC_020326	FAM20C	chr7:192968-300740	0	0	0	1
XLOC_020327	LOC100288524	chr7:330135-331454	0	0	0	1
XLOC_020328	LOC442497	chr7:419390-422845	0	0	0	1
XLOC_020336	UNCX	chr7:1272653-1276613	0	0	0	1
XLOC_020348	SDK1	chr7:3341079-4308631	0	0	0	1
XLOC_020372	NXP1	chr7:8473584-8792593	0	0	0	1
XLOC_020373	PER4	chr7:9673899-9675447	0	0	0	1
XLOC_020378	LOC100506025	chr7:16127151-16460947	0	0	0	1
XLOC_020379	LRRRC72	chr7:16566504-16621114	0	0	0	1
XLOC_020384	MACC1-AS1	chr7:20174278-20257013	0	0	0	1
XLOC_020386	ABCB5	chr7:20655244-20796637	0	0	0	1
XLOC_020390	LOC100506178	chr7:22602955-22613617	0	0	0	1

XLOC_020391	IL6	chr7:22766765-22771621	0	0	0	1
XLOC_020401	NPY	chr7:24323806-24331484	0	0	0	1
XLOC_020407	C7orf71	chr7:26677489-26686924	0	0	0	1
XLOC_020413	EVX1	chr7:27282163-27286192	0	0	0	1
XLOC_020417	LOC100506497	chr7:29019582-29186153	0	0	0	1
XLOC_020421	WIPF3	chr7:29846169-29956682	0	0	0	1
XLOC_020425	MIR550A1	chr7:30323922-30407308	0	0	0	1
XLOC_020430	GHRHR	chr7:31003635-31019146	0	0	0	1
XLOC_020432	CCDC129	chr7:31553684-31698334	0	0	0	1
XLOC_020433	PPP1R17	chr7:31726630-31748069	0	0	0	1
XLOC_020440	NPSR1	chr7:34386123-34917944	0	0	0	1
XLOC_020441	LOC401324	chr7:35353465-35416086	0	0	0	1
XLOC_020445	GPR141	chr7:37779995-37780913	0	0	0	1
XLOC_020446	NME8	chr7:37888198-37940002	0	0	0	1
XLOC_020447	EPDR1	chr7:37960162-37991542	0	0	0	1
XLOC_020450	POU6F2	chr7:39017608-39504390	0	0	0	1
XLOC_020457	INHBA-AS1	chr7:41728600-41818976	0	0	0	1
XLOC_020460	MIR3943	chr7:43152197-43602938	0	0	0	1
XLOC_020468	MIR4649	chr7:44143959-44154159	0	0	0	1
XLOC_020474	RAMP3	chr7:45197366-45223850	0	0	0	1
XLOC_020476	IGFBP1	chr7:45927958-45933267	0	0	0	1
XLOC_020477	C7orf65	chr7:47694841-47701246	0	0	0	1
XLOC_020478	LINC00525	chr7:47801073-47806370	0	0	0	1
XLOC_020479	C7orf69	chr7:47814249-47988071	0	0	0	1
XLOC_020483	CDC14C	chr7:48964156-48967049	0	0	0	1
XLOC_020484	VWC2	chr7:49813256-49952138	0	0	0	1
XLOC_020485	C7orf72	chr7:50135681-50198852	0	0	0	1
XLOC_020486	IKZF1	chr7:50344377-50472798	0	0	0	1
XLOC_020487	LOC100129427	chr7:50526133-50633154	0	0	0	1
XLOC_020488	POM121L12	chr7:53103348-53104618	0	0	0	1
XLOC_020489	VSTM2A	chr7:54610018-54639419	0	0	0	1
XLOC_020490	LOC285878	chr7:54610018-54639419	0	0	0	1
XLOC_020499	DKFZp434L192	chr7:56563915-56564977	0	0	0	1
XLOC_020500	MIR3147	chr7:57472730-57472796	0	0	0	1
XLOC_020501	ZNF716	chr7:57509882-57533265	0	0	0	1
XLOC_020502	LOC100287704	chr7:62809447-62812152	0	0	0	1
XLOC_020503	MIR4283-2	chr7:63081467-63081547	0	0	0	1
XLOC_020504	ZNF727	chr7:63505820-63538927	0	0	0	1
XLOC_020505	ZNF735	chr7:63667580-63680668	0	0	0	1
XLOC_020506	ZNF679	chr7:63688851-63727309	0	0	0	1
XLOC_020507	ZNF736	chr7:63773185-63810017	0	0	0	1
XLOC_020509	LOC641746	chr7:64042987-64044129	0	0	0	1
XLOC_020528	WBSR17	chr7:70597522-71178586	0	0	0	1
XLOC_020529	MIR3914-2	chr7:70597522-71178586	0	0	0	1
XLOC_020530	MIR4650-1	chr7:72023728-72298813	0	0	0	1
XLOC_020534	PMS2L2	chr7:72476588-72519691	0	0	0	1
XLOC_020536	NCF1B	chr7:72634673-72649979	0	0	0	1
XLOC_020538	FZD9	chr7:72848108-72850450	0	0	0	1
XLOC_020541	MIR4284	chr7:73113534-73134017	0	0	0	1

XLOC_020548	MIR590	chr7:73588705-73611429	0	0	0	1
XLOC_020555	GATSL1	chr7:74379082-74438803	0	0	0	1
XLOC_020557	SPDYE8P	chr7:74936532-74946587	0	0	0	1
XLOC_020558	SPDYE8P	chr7:74964559-74988306	0	0	0	1
XLOC_020565	MIR4651	chr7:75544419-75623992	0	0	0	1
XLOC_020566	SNORA14A	chr7:75544419-75623992	0	0	0	1
XLOC_020580	RPL13AP17	chr7:77646373-79100524	0	0	0	1
XLOC_020581	MAGI2-AS2	chr7:77646373-79100524	0	0	0	1
XLOC_020583	MIR548M	chr7:79400571-79400606	0	0	0	1
XLOC_020585	CD36	chr7:80231503-80308593	0	0	0	1
XLOC_020592	ZNF804B	chr7:88388752-88966346	0	0	0	1
XLOC_020607	MIR4652	chr7:93346239-93346317	0	0	0	1
XLOC_020608	GNGT1	chr7:93535819-93540485	0	0	0	1
XLOC_020609	GNG11	chr7:93551015-93555826	0	0	0	1
XLOC_020610	COL1A2	chr7:94023872-94060544	0	0	0	1
XLOC_020612	PEG10	chr7:94285636-94299006	0	0	0	1
XLOC_020616	DLX6	chr7:96597826-96643377	0	0	0	1
XLOC_020618	TAC1	chr7:97361270-97369784	0	0	0	1
XLOC_020622	NPTX2	chr7:98246596-98259181	0	0	0	1
XLOC_020624	MIR3609	chr7:98476112-98610866	0	0	0	1
XLOC_020636	AZGP1P1	chr7:99578384-99581860	0	0	0	1
XLOC_020658	ZAN	chr7:100331248-100395419	0	0	0	1
XLOC_020663	MUC17	chr7:100663363-100702140	0	0	0	1
XLOC_020667	MIR4653	chr7:100797685-100804557	0	0	0	1
XLOC_020672	MIR4285	chr7:101928404-101962178	0	0	0	1
XLOC_020676	MIR4467	chr7:102105389-102119381	0	0	0	1
XLOC_020678	SPDYE2L	chr7:102277194-102312176	0	0	0	1
XLOC_020684	LHFPL3	chr7:103969103-104567092	0	0	0	1
XLOC_020688	PIK3CG	chr7:106505923-106547592	0	0	0	1
XLOC_020689	PRKAR2B	chr7:106685177-106802256	0	0	0	1
XLOC_020702	FOXP2	chr7:113726364-114333827	0	0	0	1
XLOC_020703	MIR3666	chr7:113726364-114333827	0	0	0	1
XLOC_020704	MDFIC	chr7:114562208-114659970	0	0	0	1
XLOC_020714	ANKRD7	chr7:117864711-117882784	0	0	0	1
XLOC_020715	KCND2	chr7:119913721-120390387	0	0	0	1
XLOC_020719	PTPRZ1	chr7:121513158-121702090	0	0	0	1
XLOC_020721	ASB15	chr7:123249111-123277932	0	0	0	1
XLOC_020723	HYALP1	chr7:123454192-123459484	0	0	0	1
XLOC_020724	HYAL4	chr7:123485222-123517531	0	0	0	1
XLOC_020725	SPAM1	chr7:123565285-123611461	0	0	0	1
XLOC_020730	MIR593	chr7:127292201-127732659	0	0	0	1
XLOC_020731	MIR129-1	chr7:127847924-127847996	0	0	0	1
XLOC_020756	CPA5	chr7:129984629-130008571	0	0	0	1
XLOC_020757	CPA1	chr7:130020289-130027949	0	0	0	1
XLOC_020759	MIR335	chr7:130126015-130371406	0	0	0	1
XLOC_020761	FLJ40288	chr7:132333552-132413528	0	0	0	1
XLOC_020764	AKR1B10	chr7:134212343-134226166	0	0	0	1
XLOC_020770	STRA8	chr7:134916730-134943244	0	0	0	1
XLOC_020773	CHRM2	chr7:136553398-136849088	0	0	0	1

XLOC_020774	MIR490	chr7:136553398-136849088	0	0	0	1
XLOC_020776	AKR1D1	chr7:137761177-137803050	0	0	0	1
XLOC_020777	MIR4468	chr7:137808503-137808567	0	0	0	1
XLOC_020779	TMEM213	chr7:138391038-138490769	0	0	0	1
XLOC_020783	CLEC2L	chr7:139208673-139229731	0	0	0	1
XLOC_020796	OR9A4	chr7:141618675-141619620	0	0	0	1
XLOC_020798	LOC93432	chr7:141811548-141843783	0	0	0	1
XLOC_020801	PRSS2	chr7:142478756-142482399	0	0	0	1
XLOC_020803	C7orf34	chr7:142636602-142637957	0	0	0	1
XLOC_020804	OR6V1	chr7:142749437-142750379	0	0	0	1
XLOC_020805	PIP	chr7:142829173-142836834	0	0	0	1
XLOC_020806	TAS2R39	chr7:142880511-142881528	0	0	0	1
XLOC_020807	TAS2R40	chr7:142919171-142920143	0	0	0	1
XLOC_020814	TAS2R60	chr7:143078359-143220540	0	0	0	1
XLOC_020815	TAS2R41	chr7:143078359-143220540	0	0	0	1
XLOC_020818	OR2F2	chr7:143632325-143633279	0	0	0	1
XLOC_020819	OR2F1	chr7:143657019-143658108	0	0	0	1
XLOC_020820	OR6B1	chr7:143701089-143702025	0	0	0	1
XLOC_020821	OR2A5	chr7:143747494-143748430	0	0	0	1
XLOC_020822	OR2A25	chr7:143771312-143772245	0	0	0	1
XLOC_020823	OR2A12	chr7:143792200-143793133	0	0	0	1
XLOC_020824	OR2A2	chr7:143806675-143807632	0	0	0	1
XLOC_020825	OR2A14	chr7:143826205-143827138	0	0	0	1
XLOC_020827	OR2A20P,OR2A9	chr7:143996465-143997598	0	0	0	1
XLOC_020829	RNU6-57	chr7:144038210-144038237	0	0	0	1
XLOC_020832	MIR548AQ	chr7:145813452-148118088	0	0	0	1
XLOC_020833	MIR548F3	chr7:145813452-148118088	0	0	0	1
XLOC_020834	MIR548T	chr7:145813452-148118088	0	0	0	1
XLOC_020835	C7orf33	chr7:148287656-148312952	0	0	0	1
XLOC_020842	KRBA1	chr7:149412147-149431664	0	0	0	1
XLOC_020848	RNU6-33	chr7:150064035-150064063	0	0	0	1
XLOC_020852	LOC285972	chr7:150130741-150145228	0	0	0	1
XLOC_020854	GIMAP7	chr7:150211944-150218161	0	0	0	1
XLOC_020855	GIMAP4	chr7:150264457-150271041	0	0	0	1
XLOC_020857	GIMAP1,GIMAP1-	chr7:150413644-150440737	0	0	0	1
XLOC_020858	TMEM176A	chr7:150488375-150502208	0	0	0	1
XLOC_020859	ABP1	chr7:150549564-150558379	0	0	0	1
XLOC_020867	WDR86-AS1	chr7:151078206-151110132	0	0	0	1
XLOC_020869	GALNTL5	chr7:151653463-151717019	0	0	0	1
XLOC_020877	HTR5A	chr7:154858778-154879102	0	0	0	1
XLOC_020887	LOC100506585	chr7:157331749-158380482	0	0	0	1
XLOC_020888	MIR5707	chr7:158384307-158384388	0	0	0	1
XLOC_020890	LINC00689	chr7:158801044-158818929	0	0	0	1
XLOC_020896	MIR339	chr7:1036622-1177893	0	0	0	1
XLOC_020903	MIR4655	chr7:1855427-2272583	0	0	0	1
XLOC_020908	CARD11	chr7:2945709-3083509	0	0	0	1
XLOC_020909	MIR4656	chr7:4815261-4834026	0	0	0	1
XLOC_020910	RADIL	chr7:4838739-4923335	0	0	0	1
XLOC_020911	PAPOLB	chr7:4838739-4923335	0	0	0	1

XLOC_020912	MMD2	chr7:4931875-4998844	0	0	0	1
XLOC_020916	MIR589	chr7:5515427-5553399	0	0	0	1
XLOC_020919	RNF216-IT1	chr7:5659671-5821361	0	0	0	1
XLOC_020931	COL28A1	chr7:7398243-7575460	0	0	0	1
XLOC_020935	THSD7A	chr7:11410061-11871824	0	0	0	1
XLOC_020936	VWDE	chr7:12370508-12443852	0	0	0	1
XLOC_020938	DGKB	chr7:14184673-14881075	0	0	0	1
XLOC_020939	AGMO	chr7:15239942-15601640	0	0	0	1
XLOC_020940	MEOX2	chr7:15650836-15726308	0	0	0	1
XLOC_020942	SOSTDC1	chr7:16501105-16505474	0	0	0	1
XLOC_020944	AGR2	chr7:16832263-16844738	0	0	0	1
XLOC_020945	AGR3	chr7:16899029-16921613	0	0	0	1
XLOC_020947	PRPS1L1	chr7:18066399-18067486	0	0	0	1
XLOC_020948	TWIST1	chr7:19155090-19157295	0	0	0	1
XLOC_020949	FERD3L	chr7:19184404-19185044	0	0	0	1
XLOC_020951	MIR3146	chr7:19735084-19748660	0	0	0	1
XLOC_020952	TMEM196	chr7:19758937-19812404	0	0	0	1
XLOC_020963	CLK2P	chr7:23624334-23626146	0	0	0	1
XLOC_020968	NPVF	chr7:25264190-25268105	0	0	0	1
XLOC_020969	RNU6-16	chr7:25880600-25880630	0	0	0	1
XLOC_020970	MIR148A	chr7:25989538-25989606	0	0	0	1
XLOC_020972	KIAA0087	chr7:26572739-26578444	0	0	0	1
XLOC_020982	MIR196B	chr7:27202056-27219880	0	0	0	1
XLOC_020987	TRIL	chr7:28992973-28998029	0	0	0	1
XLOC_020990	MIR550A3	chr7:29685537-29727859	0	0	0	1
XLOC_020997	NEUROD6	chr7:31377074-31380538	0	0	0	1
XLOC_020998	PDE1C	chr7:31792631-32338383	0	0	0	1
XLOC_020999	LOC100130673	chr7:32496509-32498106	0	0	0	1
XLOC_021002	MIR550B2	chr7:32772592-32772689	0	0	0	1
XLOC_021007	NPSR1-AS1	chr7:34386123-34917944	0	0	0	1
XLOC_021009	DPY19L2P1	chr7:35120898-35225774	0	0	0	1
XLOC_021010	TBX20	chr7:35242041-35293711	0	0	0	1
XLOC_021013	AOAH	chr7:36552548-36764154	0	0	0	1
XLOC_021014	AOAH-IT1	chr7:36552548-36764154	0	0	0	1
XLOC_021015	ELMO1	chr7:36892510-37488895	0	0	0	1
XLOC_021016	MIR1200	chr7:36892510-37488895	0	0	0	1
XLOC_021017	SFRP4	chr7:37945534-37956525	0	0	0	1
XLOC_021018	TARP	chr7:38299243-38313248	0	0	0	1
XLOC_021019	AMPH	chr7:38423296-38671167	0	0	0	1
XLOC_021022	POU6F2-AS1	chr7:39017608-39504390	0	0	0	1
XLOC_021025	GLI3	chr7:42000547-42276618	0	0	0	1
XLOC_021036	MYL7	chr7:44178462-44180916	0	0	0	1
XLOC_021037	GCK	chr7:44183869-44229022	0	0	0	1
XLOC_021052	SNORA5B	chr7:45139698-45151346	0	0	0	1
XLOC_021054	IGFBP3	chr7:45951843-45960871	0	0	0	1
XLOC_021055	TNS3	chr7:47314751-47621742	0	0	0	1
XLOC_021059	ZPBP	chr7:49977023-50132860	0	0	0	1
XLOC_021064	FLJ45974	chr7:53723201-53879624	0	0	0	1
XLOC_021065	HPVC1	chr7:54268916-54270114	0	0	0	1

XLOC_021074	NUPR1L	chr7:56182373-56184090	0	0	0	1
XLOC_021075	LOC650226	chr7:56491396-56516068	0	0	0	1
XLOC_021076	LOC100130849	chr7:56943077-56949839	0	0	0	1
XLOC_021077	MIR4283-2	chr7:57023491-57023571	0	0	0	1
XLOC_021079	GUSBP10	chr7:57233376-57247863	0	0	0	1
XLOC_021081	LOC100287834	chr7:62856717-62859419	0	0	0	1
XLOC_021082	LOC100506050	chr7:63484795-63490480	0	0	0	1
XLOC_021091	MIR4650-1	chr7:66461791-66704507	0	0	0	1
XLOC_021093	MIR3914-1	chr7:70597522-71178586	0	0	0	1
XLOC_021117	LOC100093631	chr7:74601103-74653459	0	0	0	1
XLOC_021119	PMS2L2	chr7:74964559-74988306	0	0	0	1
XLOC_021124	CCL24	chr7:75441113-75443033	0	0	0	1
XLOC_021136	MIR548AU	chr7:77646373-79100524	0	0	0	1
XLOC_021137	GNAT3	chr7:80087986-80141242	0	0	0	1
XLOC_021149	ABCB1	chr7:87133178-87461613	0	0	0	1
XLOC_021153	C7orf62	chr7:88388752-88966346	0	0	0	1
XLOC_021154	MTERF	chr7:91502020-91510016	0	0	0	1
XLOC_021165	MIR653	chr7:93053798-93204042	0	0	0	1
XLOC_021166	MIR489	chr7:93053798-93204042	0	0	0	1
XLOC_021167	TFPI2	chr7:93514708-93520303	0	0	0	1
XLOC_021169	SGCE	chr7:94214535-94285521	0	0	0	1
XLOC_021175	MIR591	chr7:95749531-95951459	0	0	0	1
XLOC_021176	C7orf76	chr7:96110937-96132835	0	0	0	1
XLOC_021179	DLX6-AS1	chr7:96597826-96643377	0	0	0	1
XLOC_021180	DLX5	chr7:96649701-96654143	0	0	0	1
XLOC_021183	OCM2	chr7:97614012-97619416	0	0	0	1
XLOC_021196	OR2AE1	chr7:99473684-99474656	0	0	0	1
XLOC_021202	MIR25	chr7:99690403-99723128	0	0	0	1
XLOC_021203	MIR93	chr7:99690403-99723128	0	0	0	1
XLOC_021204	MIR106B	chr7:99690403-99723128	0	0	0	1
XLOC_021219	ACTL6B	chr7:100240725-100254084	0	0	0	1
XLOC_021231	MYL10	chr7:101256604-101272576	0	0	0	1
XLOC_021243	SLC26A5	chr7:102987970-103086624	0	0	0	1
XLOC_021246	LHFPL3-AS1	chr7:103969103-104567092	0	0	0	1
XLOC_021247	LHFPL3-AS2	chr7:103969103-104567092	0	0	0	1
XLOC_021258	SLC26A4-AS1	chr7:107296960-107358252	0	0	0	1
XLOC_021259	SLC26A3	chr7:107405911-107443678	0	0	0	1
XLOC_021261	LAMB4	chr7:107663995-107770801	0	0	0	1
XLOC_021262	NRCAM	chr7:107788070-108096841	0	0	0	1
XLOC_021265	C7orf66	chr7:108524037-108524637	0	0	0	1
XLOC_021266	EIF3IP1	chr7:109599283-109600270	0	0	0	1
XLOC_021273	PPP1R3A	chr7:113516881-113559082	0	0	0	1
XLOC_021274	TFEC	chr7:115575201-115670867	0	0	0	1
XLOC_021276	ST7-AS2	chr7:116592500-116870075	0	0	0	1
XLOC_021277	WNT2	chr7:116916685-116963343	0	0	0	1
XLOC_021278	ASZ1	chr7:117003275-117067577	0	0	0	1
XLOC_021287	TAS2R16	chr7:122634758-122635754	0	0	0	1
XLOC_021292	TMEM229A	chr7:123670969-123673523	0	0	0	1
XLOC_021293	GPR37	chr7:124385654-124406079	0	0	0	1

XLOC_021294	LOC154872	chr7:124417345-124430864	0	0	0	1
XLOC_021297	MIR592	chr7:126078651-126892428	0	0	0	1
XLOC_021300	PAX4	chr7:127250345-127255780	0	0	0	1
XLOC_021309	MIR182	chr7:129410222-129410332	0	0	0	1
XLOC_021310	MIR96	chr7:129414532-129414609	0	0	0	1
XLOC_021311	MIR183	chr7:129414744-129414854	0	0	0	1
XLOC_021318	KLF14	chr7:130417395-130418888	0	0	0	1
XLOC_021319	MIR29A	chr7:130561505-130561569	0	0	0	1
XLOC_021320	MIR29B1	chr7:130562217-130562298	0	0	0	1
XLOC_021332	FAM180A	chr7:135414345-135433594	0	0	0	1
XLOC_021334	LOC349160	chr7:136553398-136849088	0	0	0	1
XLOC_021338	SVOPL	chr7:138279029-138363790	0	0	0	1
XLOC_021344	KLRG2	chr7:139138087-139168457	0	0	0	1
XLOC_021356	PRSS37	chr7:141536077-141541221	0	0	0	1
XLOC_021357	CLEC5A	chr7:141627156-141646783	0	0	0	1
XLOC_021358	TAS2R38	chr7:141672430-141673573	0	0	0	1
XLOC_021359	MOXD2P	chr7:141940555-141946886	0	0	0	1
XLOC_021360	PRSS58	chr7:141951957-141957878	0	0	0	1
XLOC_021361	LOC730441	chr7:141968100-141972068	0	0	0	1
XLOC_021365	OR9A2	chr7:142723286-142724219	0	0	0	1
XLOC_021368	EPHA1	chr7:143078359-143220540	0	0	0	1
XLOC_021373	RNU6-57	chr7:143906939-143906966	0	0	0	1
XLOC_021375	OR2A20P,OR2A9	chr7:143947563-143948696	0	0	0	1
XLOC_021378	NOBOX	chr7:144094332-144107320	0	0	0	1
XLOC_021380	MIR548I4	chr7:145813452-148118088	0	0	0	1
XLOC_021381	MIR548F4	chr7:145813452-148118088	0	0	0	1
XLOC_021390	ATP6V0E2-AS1	chr7:149564782-149577787	0	0	0	1
XLOC_021392	RARRES2	chr7:150035406-150038763	0	0	0	1
XLOC_021400	GBX1	chr7:150845675-150864867	0	0	0	1
XLOC_021401	ASB10	chr7:150872784-150884919	0	0	0	1
XLOC_021404	WDR86	chr7:151078206-151110132	0	0	0	1
XLOC_021405	CRYGN	chr7:151127055-151137099	0	0	0	1
XLOC_021406	MIR3907	chr7:151127055-151137099	0	0	0	1
XLOC_021412	LOC100128264	chr7:154858778-154879102	0	0	0	1
XLOC_021413	CNPY1	chr7:155293952-155326539	0	0	0	1
XLOC_021414	SHH	chr7:155595557-155604967	0	0	0	1
XLOC_021415	LOC285889	chr7:156230482-156238282	0	0	0	1
XLOC_021420	MIR153-2	chr7:157331749-158380482	0	0	0	1
XLOC_021421	MIR595	chr7:157331749-158380482	0	0	0	1
XLOC_021424	VIPR2	chr7:158820865-158937649	0	0	0	1
XLOC_021428	ERICH1-AS1	chr8:687586-1087777	0	0	0	1
XLOC_021429	DLGAP2	chr8:1449568-1656642	0	0	0	1
XLOC_021431	MIR596	chr8:1765396-1765473	0	0	0	1
XLOC_021437	MIR4659A	chr8:6565877-6619021	0	0	0	1
XLOC_021438	LOC100652791	chr8:6666040-6699975	0	0	0	1
XLOC_021439	DEFB109P1B	chr8:7159132-7212876	0	0	0	1
XLOC_021440	USP17L1P	chr8:7159132-7212876	0	0	0	1
XLOC_021441	USP17L4	chr8:7159132-7212876	0	0	0	1
XLOC_021442	DEFB105B	chr8:7345242-7347073	0	0	0	1

XLOC_021443	DEFB107A	chr8:7353367-7366833	0	0	0	1
XLOC_021445	DEFB106B	chr8:7682693-7686575	0	0	0	1
XLOC_021446	DEFB104B	chr8:7693992-7698764	0	0	0	1
XLOC_021447	SPAG11A,SPAG1	chr8:7705401-7721319	0	0	0	1
XLOC_021448	DEFB103A,DEFB	chr8:7738725-7740180	0	0	0	1
XLOC_021449	DEFB4A	chr8:7752198-7754237	0	0	0	1
XLOC_021450	ZNF705B	chr8:7783858-7809935	0	0	0	1
XLOC_021451	FAM66E	chr8:7812534-7866277	0	0	0	1
XLOC_021455	MIR4660	chr8:8905954-8906028	0	0	0	1
XLOC_021458	MIR597	chr8:9413444-9639856	0	0	0	1
XLOC_021460	PRSS55	chr8:10383055-10411676	0	0	0	1
XLOC_021461	C8orf74	chr8:10530146-10558103	0	0	0	1
XLOC_021466	LINC00208	chr8:11434043-11438850	0	0	0	1
XLOC_021470	DEFB135	chr8:11839829-11842099	0	0	0	1
XLOC_021472	FAM66D	chr8:11973290-12008698	0	0	0	1
XLOC_021473	FAM66A	chr8:12219527-12268510	0	0	0	1
XLOC_021475	MIR3926-2	chr8:12579405-12612992	0	0	0	1
XLOC_021478	TUSC3	chr8:15397595-15624158	0	0	0	1
XLOC_021479	EFHA2	chr8:16884746-16980148	0	0	0	1
XLOC_021489	LPL	chr8:19796581-19824770	0	0	0	1
XLOC_021491	LZTS1-AS1	chr8:20133283-20147969	0	0	0	1
XLOC_021492	LOC286114	chr8:20831496-20852630	0	0	0	1
XLOC_021516	ADAM28	chr8:24151579-24212726	0	0	0	1
XLOC_021517	ADAMDEC1	chr8:24241797-24263526	0	0	0	1
XLOC_021518	ADAM7	chr8:24298508-24367077	0	0	0	1
XLOC_021519	NEFM	chr8:24771273-24776606	0	0	0	1
XLOC_021528	MIR3622A	chr8:27559189-27559284	0	0	0	1
XLOC_021531	PNOC	chr8:28174648-28200868	0	0	0	1
XLOC_021535	LOC286135	chr8:29779028-29811123	0	0	0	1
XLOC_021539	SMIM18	chr8:30436030-30515738	0	0	0	1
XLOC_021542	NRG1	chr8:31497267-32622558	0	0	0	1
XLOC_021543	NRG1-IT3	chr8:31497267-32622558	0	0	0	1
XLOC_021545	UNC5D	chr8:35092974-35652181	0	0	0	1
XLOC_021546	KCNU1	chr8:36641841-36793643	0	0	0	1
XLOC_021562	LOC100130964	chr8:39420630-39437653	0	0	0	1
XLOC_021563	ADAM18	chr8:39442086-39587583	0	0	0	1
XLOC_021565	IDO2	chr8:39792473-39873910	0	0	0	1
XLOC_021566	C8orf4	chr8:40010986-40012827	0	0	0	1
XLOC_021575	CHRNA3	chr8:42552561-42592209	0	0	0	1
XLOC_021580	POTEA	chr8:43147584-43218328	0	0	0	1
XLOC_021581	LINC00293	chr8:47752507-47767407	0	0	0	1
XLOC_021586	C8orf22	chr8:49966894-49988642	0	0	0	1
XLOC_021587	SNTG1	chr8:50824596-51705427	0	0	0	1
XLOC_021588	NPBWR1	chr8:53852467-53853454	0	0	0	1
XLOC_021592	RP1	chr8:55528626-55543394	0	0	0	1
XLOC_021593	XKR4	chr8:56015016-56438710	0	0	0	1
XLOC_021597	LOC100507651	chr8:58131647-58145388	0	0	0	1
XLOC_021598	LOC286177	chr8:58173784-58179170	0	0	0	1
XLOC_021599	LINC00588	chr8:58192101-58197290	0	0	0	1

XLOC_021602	SDCBP	chr8:59465727-59495419	80.8162	64.506	0	1
XLOC_021606	MIR4470	chr8:62627346-62627418	0	0	0	1
XLOC_021607	NKAIN3	chr8:63161500-63903628	0	0	0	1
XLOC_021608	UG0898H09	chr8:63161500-63903628	0	0	0	1
XLOC_021610	LOC286184	chr8:64681987-64698054	0	0	0	1
XLOC_021611	LOC100130155	chr8:65285774-65291386	0	0	0	1
XLOC_021612	MIR124-2	chr8:65291705-65291814	0	0	0	1
XLOC_021613	BHLHE22	chr8:65492794-65496191	0	0	0	1
XLOC_021617	LOC100505659	chr8:67104348-67109554	0	0	0	1
XLOC_021625	C8orf34	chr8:69215702-69731258	0	0	0	1
XLOC_021629	LOC100132891	chr8:72753776-72987819	0	0	0	1
XLOC_021630	RNU6-83	chr8:72753776-72987819	0	0	0	1
XLOC_021631	KCNB2	chr8:73449625-73850584	0	0	0	1
XLOC_021638	MIR5681A	chr8:75460777-75460852	0	0	0	1
XLOC_021639	FLJ39080	chr8:75512100-75670587	0	0	0	1
XLOC_021640	MIR2052	chr8:75512100-75670587	0	0	0	1
XLOC_021642	CRISPLD1	chr8:75896707-75946793	0	0	0	1
XLOC_021645	PKIA	chr8:79428335-79517502	0	0	0	1
XLOC_021647	STMN2	chr8:80523048-80578410	0	0	0	1
XLOC_021648	MIR5708	chr8:81153623-81153708	0	0	0	1
XLOC_021649	ZBTB10	chr8:81398447-81434610	0	0	0	1
XLOC_021652	RALYL	chr8:85095452-85834078	0	0	0	1
XLOC_021658	REXO1L2P	chr8:86727072-86728150	0	0	0	1
XLOC_021659	REXO1L2P	chr8:86748526-86749604	0	0	0	1
XLOC_021663	CNBD1	chr8:87878675-88394955	0	0	0	1
XLOC_021667	LINC00534	chr8:91233715-91400187	0	0	0	1
XLOC_021671	MIR4661	chr8:92114846-92231464	0	0	0	1
XLOC_021681	MIR3150A	chr8:96085138-96085224	0	0	0	1
XLOC_021697	MIR4471	chr8:101394990-101395073	0	0	0	1
XLOC_021699	NACAP1	chr8:102381120-102381823	0	0	0	1
XLOC_021700	GRHL2	chr8:102504667-102681952	0	0	0	1
XLOC_021701	MIR5680	chr8:103137659-103137743	0	0	0	1
XLOC_021702	ODF1	chr8:103563847-103573245	0	0	0	1
XLOC_021705	MIR3151	chr8:104145190-104242533	0	0	0	1
XLOC_021709	RIMS2	chr8:104512975-105266656	0	0	0	1
XLOC_021710	DCSTAMP	chr8:105352023-105368917	0	0	0	1
XLOC_021716	PKHD1L1	chr8:110374705-110543500	0	0	0	1
XLOC_021718	MIR2053	chr8:113235158-114449242	0	0	0	1
XLOC_021721	AARD	chr8:117950463-117956239	0	0	0	1
XLOC_021722	SLC30A8	chr8:117962511-118188953	0	0	0	1
XLOC_021726	MAL2	chr8:120220609-120257914	0	0	0	1
XLOC_021729	COL14A1	chr8:121137346-121384273	0	0	0	1
XLOC_021737	FER1L6	chr8:124864226-125132302	0	0	0	1
XLOC_021741	LOC157381	chr8:125954249-125963337	0	0	0	1
XLOC_021749	MIR1204	chr8:128808207-128808274	0	0	0	1
XLOC_021751	MIR1205	chr8:128902873-129113499	0	0	0	1
XLOC_021752	MIR1206	chr8:128902873-129113499	0	0	0	1
XLOC_021753	MIR1207	chr8:128902873-129113499	0	0	0	1
XLOC_021754	MIR1208	chr8:129162361-129162434	0	0	0	1

XLOC_021758	WISP1	chr8:134203281-134243932	0	0	0	1
XLOC_021760	LOC286094	chr8:136246373-136311962	0	0	0	1
XLOC_021761	KHDRBS3	chr8:136469715-136659848	0	0	0	1
XLOC_021764	LOC731779	chr8:142350647-142354720	0	0	0	1
XLOC_021766	MIR4472-1	chr8:143257699-143257779	0	0	0	1
XLOC_021767	LINC00051	chr8:143279716-143290364	0	0	0	1
XLOC_021772	GML	chr8:143916216-143928262	0	0	0	1
XLOC_021796	SCXB	chr8:145321516-145323045	0	0	0	1
XLOC_021797	FAM203A	chr8:145437879-145440828	0	0	0	1
XLOC_021798	SCXA	chr8:145486055-145515120	0	0	0	1
XLOC_021812	OR4F21	chr8:116085-117024	0	0	0	1
XLOC_021816	LOC286083	chr8:1244293-1250827	0	0	0	1
XLOC_021817	CSMD1	chr8:2792874-4852328	0	0	0	1
XLOC_021820	MIR4659B	chr8:6565877-6619021	0	0	0	1
XLOC_021821	XKR5	chr8:6666040-6699975	0	0	0	1
XLOC_021822	DEFB1	chr8:6728096-6735529	0	0	0	1
XLOC_021823	DEFA6	chr8:6782215-6783598	0	0	0	1
XLOC_021824	DEFA4	chr8:6793344-6795786	0	0	0	1
XLOC_021825	DEFA8P	chr8:6808247-6809121	0	0	0	1
XLOC_021826	DEFA9P	chr8:6816810-6817683	0	0	0	1
XLOC_021827	DEFA10P	chr8:6825662-6826635	0	0	0	1
XLOC_021828	DEFA1B	chr8:6835170-6837614	0	0	0	1
XLOC_021829	DEFT1P2	chr8:6844699-6847243	0	0	0	1
XLOC_021830	DEFA1	chr8:6854287-6856724	0	0	0	1
XLOC_021831	DEFT1P2	chr8:6863802-6866346	0	0	0	1
XLOC_021832	DEFA1	chr8:6873390-6875823	0	0	0	1
XLOC_021833	DEFA11P	chr8:6886122-6887011	0	0	0	1
XLOC_021834	DEFA5	chr8:6912828-6914259	0	0	0	1
XLOC_021835	LOC349196	chr8:7118140-7121014	0	0	0	1
XLOC_021836	LOC349196	chr8:7125762-7128636	0	0	0	1
XLOC_021837	LOC349196	chr8:7141006-7143880	0	0	0	1
XLOC_021838	FAM66B	chr8:7159132-7212876	0	0	0	1
XLOC_021839	ZNF705G	chr8:7215497-7220490	0	0	0	1
XLOC_021840	DEFB4B	chr8:7272384-7274354	0	0	0	1
XLOC_021841	DEFB103A,DEFB	chr8:7286415-7287870	0	0	0	1
XLOC_021842	SPAG11B	chr8:7305275-7321192	0	0	0	1
XLOC_021843	DEFB104A	chr8:7327829-7332604	0	0	0	1
XLOC_021844	DEFB106B	chr8:7340025-7343909	0	0	0	1
XLOC_021845	FAM90A7P	chr8:7413659-7416626	0	0	0	1
XLOC_021846	FAM90A7P	chr8:7421309-7431920	0	0	0	1
XLOC_021847	DEFB107B	chr8:7669241-7673238	0	0	0	1
XLOC_021848	DEFB105A	chr8:7679529-7681360	0	0	0	1
XLOC_021849	USP17L8	chr8:7812534-7866277	0	0	0	1
XLOC_021850	USP17L3	chr8:7812534-7866277	0	0	0	1
XLOC_021851	DEFB109P1B	chr8:7812534-7866277	0	0	0	1
XLOC_021852	MIR548I3	chr8:7946462-7946611	0	0	0	1
XLOC_021856	LINC00599	chr8:9757573-9760839	0	0	0	1
XLOC_021857	MIR124-1	chr8:9760897-9760982	0	0	0	1
XLOC_021861	MIR1322	chr8:10622883-10697299	0	0	0	1

XLOC_021863	MIR598	chr8:10753656-11058875	0	0	0	1
XLOC_021866	DEFB136	chr8:11831445-11832108	0	0	0	1
XLOC_021868	LOC100133267	chr8:11921897-11929256	0	0	0	1
XLOC_021869	LOC392196	chr8:11973290-12008698	0	0	0	1
XLOC_021870	USP17L7	chr8:11973290-12008698	0	0	0	1
XLOC_021871	USP17L2	chr8:11973290-12008698	0	0	0	1
XLOC_021874	DEFB130	chr8:12168470-12175825	0	0	0	1
XLOC_021875	LOC649352	chr8:12219527-12268510	0	0	0	1
XLOC_021876	DEFB109P1	chr8:12219527-12268510	0	0	0	1
XLOC_021881	MIR3926-1	chr8:12579405-12612992	0	0	0	1
XLOC_021882	LOC340357	chr8:12623570-12668910	0	0	0	1
XLOC_021885	MIR383	chr8:13947372-15095792	0	0	0	1
XLOC_021887	FGF20	chr8:16850333-16859674	0	0	0	1
XLOC_021891	FGL1	chr8:17721899-17753047	0	0	0	1
XLOC_021894	LOC100128993	chr8:19041185-19103032	0	0	0	1
XLOC_021896	SLC18A1	chr8:20002365-20040717	0	0	0	1
XLOC_021897	LZTS1	chr8:20103675-20112803	0	0	0	1
XLOC_021898	GFRA2	chr8:21549529-21646346	0	0	0	1
XLOC_021899	DOK2	chr8:21766383-21771205	0	0	0	1
XLOC_021903	LGI3	chr8:22004342-22014344	0	0	0	1
XLOC_021905	MIR320A	chr8:22102474-22102556	0	0	0	1
XLOC_021909	PEBP4	chr8:22570764-22785421	0	0	0	1
XLOC_021916	NKX2-6	chr8:23559963-23564111	0	0	0	1
XLOC_021918	NEFL	chr8:24808468-24814383	0	0	0	1
XLOC_021921	EBF2	chr8:25699245-25902640	0	0	0	1
XLOC_021924	STMN4	chr8:27093813-27115903	0	0	0	1
XLOC_021926	CHRNA2	chr8:27317277-27336813	0	0	0	1
XLOC_021928	MIR3622B	chr8:27559189-27559284	0	0	0	1
XLOC_021931	SCARA5	chr8:27727398-27850369	0	0	0	1
XLOC_021932	MIR4287	chr8:27727398-27850369	0	0	0	1
XLOC_021936	MIR4288	chr8:28351721-28431785	0	0	0	1
XLOC_021940	LINC00589	chr8:29578775-29605625	0	0	0	1
XLOC_021941	MIR3148	chr8:29814787-29814864	0	0	0	1
XLOC_021942	MIR548O2	chr8:29920257-30108213	0	0	0	1
XLOC_021949	TEX15	chr8:30689059-30706533	0	0	0	1
XLOC_021950	PURG	chr8:30853320-31031277	0	0	0	1
XLOC_021954	DUSP26	chr8:33448853-33457439	0	0	0	1
XLOC_021958	GOT1L1	chr8:37791799-37797647	0	0	0	1
XLOC_021959	ADRB3	chr8:37820513-37824184	0	0	0	1
XLOC_021965	C8orf86	chr8:38368351-38386180	0	0	0	1
XLOC_021968	ADAM3A	chr8:39308563-39380508	0	0	0	1
XLOC_021969	ADAM2	chr8:39601254-39695779	0	0	0	1
XLOC_021970	ZMAT4	chr8:40388110-40755343	0	0	0	1
XLOC_021971	SFRP1	chr8:41119475-41166990	0	0	0	1
XLOC_021972	NKX6-3	chr8:41503828-41504878	0	0	0	1
XLOC_021974	MIR486	chr8:41510743-41754280	0	0	0	1
XLOC_021979	CHRNA6	chr8:42607779-42623929	0	0	0	1
XLOC_021984	EFCAB1	chr8:49627473-49647870	0	0	0	1
XLOC_021986	PXDNL	chr8:52232136-52722005	0	0	0	1

XLOC_021988	ST18	chr8:53023391-53322439	0	0	0	1
XLOC_021991	OPRK1	chr8:54138275-54164194	0	0	0	1
XLOC_021995	SBF1P1	chr8:56015016-56438710	0	0	0	1
XLOC_021998	SNORD54	chr8:56980738-56987140	0	0	0	1
XLOC_021999	MOS	chr8:57025500-57026541	0	0	0	1
XLOC_022001	SDR16C5	chr8:57212569-57233241	0	0	0	1
XLOC_022002	PENK	chr8:57353512-57359282	0	0	0	1
XLOC_022003	LOC100507632	chr8:57430877-57472382	0	0	0	1
XLOC_022005	CYP7A1	chr8:59402736-59412720	0	0	0	1
XLOC_022007	TOX	chr8:59717976-60031767	0	0	0	1
XLOC_022008	CA8	chr8:61101422-61193954	0	0	0	1
XLOC_022013	LOC401463	chr8:65486865-65489820	0	0	0	1
XLOC_022014	CYP7B1	chr8:65508528-65711348	0	0	0	1
XLOC_022015	LINC00251	chr8:66073379-66092575	0	0	0	1
XLOC_022019	CRH	chr8:67088611-67090846	0	0	0	1
XLOC_022023	PTTG3P	chr8:67579786-67774257	0	0	0	1
XLOC_022025	SNORD87	chr8:67782983-67837777	0	0	0	1
XLOC_022026	TCF24	chr8:67858735-67874825	0	0	0	1
XLOC_022027	PPP1R42	chr8:67900366-67940786	0	0	0	1
XLOC_022030	CPA6	chr8:68334404-68658620	0	0	0	1
XLOC_022031	LOC286189	chr8:69215702-69731258	0	0	0	1
XLOC_022034	PRDM14	chr8:70963885-70983562	0	0	0	1
XLOC_022038	EYA1	chr8:72109667-72274467	0	0	0	1
XLOC_022039	MSC	chr8:72753776-72987819	0	0	0	1
XLOC_022040	TRPA1	chr8:72753776-72987819	0	0	0	1
XLOC_022041	LOC392232	chr8:73117533-73163869	0	0	0	1
XLOC_022049	MIR5681B	chr8:75460777-75460852	0	0	0	1
XLOC_022050	ZFH4-AS1	chr8:77523113-77779521	0	0	0	1
XLOC_022058	PMP2	chr8:82352563-82359719	0	0	0	1
XLOC_022059	FABP9	chr8:82370617-82373758	0	0	0	1
XLOC_022060	FABP4	chr8:82390731-82395473	0	0	0	1
XLOC_022067	CA1	chr8:86240457-86290342	0	0	0	1
XLOC_022068	REXO1L2P	chr8:86566827-86567905	0	0	0	1
XLOC_022069	REXO1L1	chr8:86568694-86575726	0	0	0	1
XLOC_022070	REXO1L2P	chr8:86756683-86757761	0	0	0	1
XLOC_022071	REXO1L1	chr8:86758550-86789306	0	0	0	1
XLOC_022072	REXO1L2P	chr8:86758550-86789306	0	0	0	1
XLOC_022073	REXO1L2P	chr8:86802519-86803597	0	0	0	1
XLOC_022074	REXO1L2P	chr8:86814712-86815790	0	0	0	1
XLOC_022075	REXO1L2P	chr8:86839093-86840171	0	0	0	1
XLOC_022076	PSKH2	chr8:87060690-87081851	0	0	0	1
XLOC_022077	SLC7A13	chr8:87226287-87242604	0	0	0	1
XLOC_022079	CNGB3	chr8:87586162-87755903	0	0	0	1
XLOC_022080	DCAF4L2	chr8:88882970-88886296	0	0	0	1
XLOC_022081	MMP16	chr8:89049459-89339717	0	0	0	1
XLOC_022083	CALB1	chr8:91070837-91095107	0	0	0	1
XLOC_022088	FLJ46284	chr8:93725189-93798288	0	0	0	1
XLOC_022090	C8orf87	chr8:94146323-94179079	0	0	0	1
XLOC_022093	MIR378D2	chr8:94928249-94928347	0	0	0	1

XLOC_022101	MIR3150B	chr8:96085138-96085224	0	0	0	1
XLOC_022102	C8orf69	chr8:96219234-96228602	0	0	0	1
XLOC_022104	LOC100500773	chr8:96959212-96960576	0	0	0	1
XLOC_022105	GDF6	chr8:97154557-97173020	0	0	0	1
XLOC_022108	TSPYL5	chr8:98285713-98290176	0	0	0	1
XLOC_022114	MIR599	chr8:100025493-100889814	0	0	0	1
XLOC_022115	MIR875	chr8:100025493-100889814	0	0	0	1
XLOC_022117	RGS22	chr8:100973275-101118344	0	0	0	1
XLOC_022130	C8orf56	chr8:104145190-104242533	0	0	0	1
XLOC_022136	ANGPT1	chr8:108261709-108510254	0	0	0	1
XLOC_022137	RSPO2	chr8:108911543-109095913	0	0	0	1
XLOC_022142	KCNV1	chr8:110979232-110986959	0	0	0	1
XLOC_022150	TNFRSF11B	chr8:119935795-119964383	0	0	0	1
XLOC_022151	ENPP2	chr8:120569316-120651106	0	0	0	1
XLOC_022159	MIR4663	chr8:124228027-124228103	0	0	0	1
XLOC_022163	KLHL38	chr8:124657914-124665190	0	0	0	1
XLOC_022164	ANXA13	chr8:124693033-124749647	0	0	0	1
XLOC_022165	FER1L6-AS1	chr8:124864226-125132302	0	0	0	1
XLOC_022172	LOC727677	chr8:128455594-128494384	0	0	0	1
XLOC_022173	LOC728724	chr8:130228712-130253486	0	0	0	1
XLOC_022174	GSDMC	chr8:130760441-130799134	0	0	0	1
XLOC_022176	MIR5194	chr8:130851838-131028897	0	0	0	1
XLOC_022180	ADCY8	chr8:131792546-132052835	0	0	0	1
XLOC_022181	OC90	chr8:133036466-133071627	0	0	0	1
XLOC_022187	SLA	chr8:133879204-134147143	0	0	0	1
XLOC_022191	MIR30B	chr8:135812762-135812850	0	0	0	1
XLOC_022192	MIR30D	chr8:135817118-135817188	0	0	0	1
XLOC_022193	FAM135B	chr8:139142265-139509065	0	0	0	1
XLOC_022194	COL22A1	chr8:139600477-139926236	0	0	0	1
XLOC_022195	KCNK9	chr8:140624803-140715299	0	0	0	1
XLOC_022200	GPR20	chr8:142366586-142377365	0	0	0	1
XLOC_022201	MROH5	chr8:142443928-142517330	0	0	0	1
XLOC_022206	SLURP1	chr8:143822361-143823829	0	0	0	1
XLOC_022207	LYPD2	chr8:143831627-143833952	0	0	0	1
XLOC_022208	LYNX1	chr8:143845755-143859640	0	0	0	1
XLOC_022209	LY6D	chr8:143866297-143868008	0	0	0	1
XLOC_022210	CYP11B1	chr8:143953772-143961236	0	0	0	1
XLOC_022211	CYP11B2	chr8:143991974-143999259	0	0	0	1
XLOC_022213	LY6H	chr8:144239330-144242053	0	0	0	1
XLOC_022225	MIR4664	chr8:144806102-144815914	0	0	0	1
XLOC_022231	MIR661	chr8:144989320-145050913	0	0	0	1
XLOC_022257	DDX11L5	chr9:11986-29739	0	0	0	1
XLOC_022261	DMRT3	chr9:976967-991732	0	0	0	1
XLOC_022264	VLDLR	chr9:2535654-2654485	0	0	0	1
XLOC_022266	GLIS3-AS1	chr9:3824127-4300035	0	0	0	1
XLOC_022271	MIR101-2	chr9:4792833-4861064	0	0	0	1
XLOC_022273	INSL4	chr9:5231418-5233967	0	0	0	1
XLOC_022275	PDCD1LG2	chr9:5510544-5571282	0	0	0	1
XLOC_022278	MIR4665	chr9:5919007-6008003	0	0	0	1

XLOC_022279	IL33	chr9:6215785-6257983	0	0	0	1
XLOC_022280	TPD52L3	chr9:6328348-6331900	0	0	0	1
XLOC_022285	LINC00583	chr9:13927969-13945606	0	0	0	1
XLOC_022286	LOC389705	chr9:14993324-15019722	0	0	0	1
XLOC_022292	MIR3152	chr9:18474078-18910947	0	0	0	1
XLOC_022297	MIR491	chr9:20658308-20995954	0	0	0	1
XLOC_022298	IFNA8	chr9:21409145-21410184	0	0	0	1
XLOC_022301	C9orf53	chr9:21967137-21994490	0	0	0	1
XLOC_022303	DMRTA1	chr9:22446839-22452472	0	0	0	1
XLOC_022304	FLJ35282	chr9:22646198-22824212	0	0	0	1
XLOC_022308	IFNK	chr9:27325206-27529850	0	0	0	1
XLOC_022311	TMEM215	chr9:32783496-32789199	0	0	0	1
XLOC_022313	SPINK4	chr9:33240195-33248565	0	0	0	1
XLOC_022320	SNORD121B	chr9:33921690-34048947	0	0	0	1
XLOC_022324	LOC415056	chr9:34551429-34590138	0	0	0	1
XLOC_022334	MIR4667	chr9:35605280-35618424	0	0	0	1
XLOC_022342	HRCT1	chr9:35906188-35907138	0	0	0	1
XLOC_022344	RECK	chr9:36036909-36124452	0	0	0	1
XLOC_022345	GLIPR2	chr9:36136741-36163903	0	0	0	1
XLOC_022358	SPATA31A2	chr9:39355698-39361959	0	0	0	1
XLOC_022359	SPATA31A2	chr9:39884974-39891210	0	0	0	1
XLOC_022360	FAM74A1	chr9:39900199-39907240	0	0	0	1
XLOC_022361	SPATA31A3	chr9:40700290-40706537	0	0	0	1
XLOC_022362	FAM74A3	chr9:40715523-40722679	0	0	0	1
XLOC_022363	SPATA31A5	chr9:41500678-41506925	0	0	0	1
XLOC_022364	LOC643648	chr9:41958801-42019584	0	0	0	1
XLOC_022365	ANKRD20A2,ANK	chr9:42368302-42411863	0	0	0	1
XLOC_022366	FAM95B1	chr9:42468588-42474238	0	0	0	1
XLOC_022367	FOXD4L4	chr9:42717233-42720342	0	0	0	1
XLOC_022369	CNTNAP3B	chr9:43684884-43922473	0	0	0	1
XLOC_022370	LOC643648	chr9:44387386-44391416	0	0	0	1
XLOC_022372	FAM27A	chr9:45727028-45728283	0	0	0	1
XLOC_022374	LOC643648	chr9:46829289-46833319	0	0	0	1
XLOC_022379	LOC100133920	chr9:69651360-69664949	0	0	0	1
XLOC_022388	C9orf135	chr9:72435730-72521148	0	0	0	1
XLOC_022393	TMC1	chr9:75136716-75451267	0	0	0	1
XLOC_022395	RORB	chr9:77112251-77302117	0	0	0	1
XLOC_022400	PCA3	chr9:79226291-79521003	0	0	0	1
XLOC_022401	FOXB2	chr9:79634570-79635869	0	0	0	1
XLOC_022406	SPATA31D5P	chr9:84528351-84534842	0	0	0	1
XLOC_022407	SPATA31D4	chr9:84543342-84549913	0	0	0	1
XLOC_022408	SPATA31D3	chr9:84558414-84565009	0	0	0	1
XLOC_022409	SPATA31D1	chr9:84603686-84610171	0	0	0	1
XLOC_022415	LOC100506834	chr9:89563612-89616948	0	0	0	1
XLOC_022416	C9orf170	chr9:89763558-89774641	0	0	0	1
XLOC_022419	CTSL3P	chr9:90387829-90401799	0	0	0	1
XLOC_022420	CTSL1P8	chr9:90459659-90462339	0	0	0	1
XLOC_022421	SPATA31E1	chr9:90497771-90503814	0	0	0	1
XLOC_022422	SPATA31C1	chr9:90532876-90538572	0	0	0	1

XLOC_022427	MIR3153	chr9:91926112-91931618	0	0	0	1
XLOC_022430	UNQ6494	chr9:92254697-92334674	0	0	0	1
XLOC_022432	MIR3910-1	chr9:94398532-94398643	0	0	0	1
XLOC_022434	LINC00475	chr9:94903748-94921890	0	0	0	1
XLOC_022439	SUSD3	chr9:95820988-95847415	0	0	0	1
XLOC_022444	MIR4291	chr9:96581638-96581703	0	0	0	1
XLOC_022446	MIRLET7A1	chr9:96938238-96938318	0	0	0	1
XLOC_022447	MIRLET7F1	chr9:96938628-96938715	0	0	0	1
XLOC_022453	MIR2278	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022454	MIR23B	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022455	MIR27B	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022456	MIR24-1	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022461	LOC441455	chr9:99488102-99489749	0	0	0	1
XLOC_022469	FOXO1	chr9:100615536-100618997	0	0	0	1
XLOC_022473	COL15A1	chr9:101706137-101833068	0	0	0	1
XLOC_022481	LPPR1	chr9:103791030-104087417	0	0	0	1
XLOC_022484	CYLC2	chr9:105757592-105780770	0	0	0	1
XLOC_022486	OR13F1	chr9:107266543-107267503	0	0	0	1
XLOC_022487	OR13C8	chr9:107331448-107332411	0	0	0	1
XLOC_022488	OR13D1	chr9:107456702-107457743	0	0	0	1
XLOC_022499	ACTL7A	chr9:111624602-111626035	0	0	0	1
XLOC_022502	MUSK	chr9:113431050-113563278	0	0	0	1
XLOC_022506	MIR4668	chr9:114659205-114695433	0	0	0	1
XLOC_022514	BSPRY	chr9:116111811-116133513	0	0	0	1
XLOC_022519	MIR455	chr9:116918230-117072975	0	0	0	1
XLOC_022521	ORM2	chr9:117092068-117095536	0	0	0	1
XLOC_022524	DEC1	chr9:117904096-118164923	0	0	0	1
XLOC_022526	LOC100128505	chr9:119187503-120177317	0	0	0	1
XLOC_022528	TLR4	chr9:120466452-120479769	0	0	0	1
XLOC_022537	OR1J2	chr9:125273080-125274022	0	0	0	1
XLOC_022538	OR1J4	chr9:125281419-125282361	0	0	0	1
XLOC_022539	OR1N2	chr9:125315448-125316441	0	0	0	1
XLOC_022541	OR1L1	chr9:125423994-125424927	0	0	0	1
XLOC_022542	OR1L3	chr9:125437408-125438383	0	0	0	1
XLOC_022543	OR1L4	chr9:125486268-125487204	0	0	0	1
XLOC_022544	OR1L6	chr9:125512126-125513062	0	0	0	1
XLOC_022545	OR5C1	chr9:125551211-125552174	0	0	0	1
XLOC_022546	OR1K1	chr9:125562401-125563352	0	0	0	1
XLOC_022548	GPR21	chr9:125703287-125867147	0	0	0	1
XLOC_022550	LHX2	chr9:126773888-126795442	0	0	0	1
XLOC_022553	GPR144	chr9:127213422-127239379	0	0	0	1
XLOC_022554	MIR181A2HG	chr9:127284702-127533576	0	0	0	1
XLOC_022555	MIR181A2	chr9:127284702-127533576	0	0	0	1
XLOC_022556	MIR181B2	chr9:127284702-127533576	0	0	0	1
XLOC_022575	MIR2861,MIR396C	chr9:130548111-130548286	0	0	0	1
XLOC_022587	MIR2964A	chr9:131154896-131154993	0	0	0	1
XLOC_022603	C9orf106	chr9:132083294-132084882	0	0	0	1
XLOC_022606	PRRX2	chr9:132427919-132484951	0	0	0	1
XLOC_022621	SNORD62A	chr9:134305476-134375575	0	0	0	1

XLOC_022622	SNORD62B	chr9:134305476-134375575	0	0	0	1
XLOC_022629	GFI1B	chr9:135854097-135867084	0	0	0	1
XLOC_022632	CELP	chr9:135957925-135962478	0	0	0	1
XLOC_022634	SNORD24	chr9:136215068-136218280	0	0	0	1
XLOC_022635	SNORD36B	chr9:136215068-136218280	0	0	0	1
XLOC_022637	SNORD36C	chr9:136215068-136218280	0	0	0	1
XLOC_022643	DBH	chr9:136501484-136524466	0	0	0	1
XLOC_022647	MIR4669	chr9:137218315-137332431	0	0	0	1
XLOC_022649	FCN2	chr9:137772657-137779366	0	0	0	1
XLOC_022650	OLFM1	chr9:137967088-138013030	0	0	0	1
XLOC_022651	LOC401557	chr9:138073454-138079152	0	0	0	1
XLOC_022652	C9orf62	chr9:138235094-138238404	0	0	0	1
XLOC_022656	OBP2A	chr9:138437984-138441815	0	0	0	1
XLOC_022658	LOC100130954	chr9:138466770-138478958	0	0	0	1
XLOC_022659	LCN9	chr9:138555167-138557755	0	0	0	1
XLOC_022665	MIR126	chr9:139553307-139567130	0	0	0	1
XLOC_022671	MIR4292	chr9:139690789-139735639	0	0	0	1
XLOC_022676	MIR4479	chr9:139780964-139821067	0	0	0	1
XLOC_022679	PTGDS	chr9:139871955-139876194	0	0	0	1
XLOC_022680	LCNL1	chr9:139877444-139880210	0	0	0	1
XLOC_022700	MIR602	chr9:140732870-140732968	0	0	0	1
XLOC_022701	CACNA1B	chr9:140772240-141019076	0	0	0	1
XLOC_022705	FAM138C	chr9:34393-35864	0	0	0	1
XLOC_022715	INSL6	chr9:5163862-5185618	0	0	0	1
XLOC_022724	PTPRD	chr9:8314245-10612723	0	0	0	1
XLOC_022725	MPDZ	chr9:13105702-13279563	0	0	0	1
XLOC_022729	CER1	chr9:14719731-14722715	0	0	0	1
XLOC_022730	FREM1	chr9:14734663-14910993	0	0	0	1
XLOC_022733	C9orf92	chr9:16203932-16276311	0	0	0	1
XLOC_022742	MIR4473	chr9:20344967-20622514	0	0	0	1
XLOC_022743	MIR4474	chr9:20344967-20622514	0	0	0	1
XLOC_022744	PTPLAD2	chr9:21006364-21031635	0	0	0	1
XLOC_022745	IFNB1	chr9:21077103-21077943	0	0	0	1
XLOC_022746	IFNW1	chr9:21140630-21142144	0	0	0	1
XLOC_022747	IFNA21	chr9:21165635-21166659	0	0	0	1
XLOC_022748	IFNA4	chr9:21186617-21187598	0	0	0	1
XLOC_022749	IFNA7	chr9:21201467-21202204	0	0	0	1
XLOC_022750	IFNA10	chr9:21206179-21207142	0	0	0	1
XLOC_022751	IFNA16	chr9:21216371-21217310	0	0	0	1
XLOC_022752	IFNA17	chr9:21227241-21228221	0	0	0	1
XLOC_022753	IFNA14	chr9:21239200-21239978	0	0	0	1
XLOC_022754	IFNA22P	chr9:21277686-21278562	0	0	0	1
XLOC_022755	IFNA5	chr9:21304612-21305312	0	0	0	1
XLOC_022757	IFNA6	chr9:21350316-21350886	0	0	0	1
XLOC_022758	IFNA13	chr9:21367370-21368075	0	0	0	1
XLOC_022759	IFNA2	chr9:21384253-21385396	0	0	0	1
XLOC_022762	MIR31	chr9:21454266-21559697	0	0	0	1
XLOC_022765	ELAVL2	chr9:23690102-23826063	0	0	0	1
XLOC_022766	IZUMO3	chr9:24543212-24545674	0	0	0	1

XLOC_022775	LINGO2	chr9:27948083-29212998	0	0	0	1
XLOC_022776	MIR876	chr9:27948083-29212998	0	0	0	1
XLOC_022777	MIR873	chr9:27948083-29212998	0	0	0	1
XLOC_022778	LOC401497	chr9:30388932-30408452	0	0	0	1
XLOC_022782	TAF1L	chr9:32629451-32635667	0	0	0	1
XLOC_022787	AQP7	chr9:33384947-33402517	0	0	0	1
XLOC_022790	SUGT1P1	chr9:33504534-33511164	0	0	0	1
XLOC_022793	SNORD121A	chr9:33921690-34048947	0	0	0	1
XLOC_022800	CNTFR	chr9:34551429-34590138	0	0	0	1
XLOC_022805	CCL27	chr9:34652181-34662689	0	0	0	1
XLOC_022806	CCL19	chr9:34689566-34691274	0	0	0	1
XLOC_022807	CCL21	chr9:34709001-34710147	0	0	0	1
XLOC_022808	FAM205A	chr9:34723049-34729535	0	0	0	1
XLOC_022809	FAM205B	chr9:34830263-34838583	0	0	0	1
XLOC_022817	SIT1	chr9:35649296-35650947	0	0	0	1
XLOC_022826	FAM221B	chr9:35817013-35828744	0	0	0	1
XLOC_022828	OR2S2	chr9:35957104-35958151	0	0	0	1
XLOC_022831	MIR4475	chr9:36823535-36823596	0	0	0	1
XLOC_022832	PAX5	chr9:36838530-37034476	0	0	0	1
XLOC_022833	MIR4540	chr9:36838530-37034476	0	0	0	1
XLOC_022834	MIR4476	chr9:36838530-37034476	0	0	0	1
XLOC_022841	IGFBPL1	chr9:38406524-38424444	0	0	0	1
XLOC_022844	CNTNAP3	chr9:39072763-39288300	0	0	0	1
XLOC_022847	SPATA31A4	chr9:41321106-41327397	0	0	0	1
XLOC_022848	LOC653501,ZNF6	chr9:41588832-41609544	0	0	0	1
XLOC_022851	LOC286297	chr9:42844369-42893137	0	0	0	1
XLOC_022852	FAM95B1	chr9:43027662-43033312	0	0	0	1
XLOC_022853	ANKRD20A2,ANK	chr9:43089971-43133544	0	0	0	1
XLOC_022854	LOC642929	chr9:43140536-43145484	0	0	0	1
XLOC_022855	SPATA31A6	chr9:43624501-43630730	0	0	0	1
XLOC_022856	FAM74A2,FAM74	chr9:65487272-65494386	0	0	0	1
XLOC_022857	SPATA31A5	chr9:65503362-65509610	0	0	0	1
XLOC_022858	LOC286297	chr9:67017374-67032072	0	0	0	1
XLOC_022860	FAM27B	chr9:67792928-67794189	0	0	0	1
XLOC_022866	FOXD4L5	chr9:70175706-70178815	0	0	0	1
XLOC_022867	FOXD4L4	chr9:70426622-70429731	0	0	0	1
XLOC_022871	PRKACG	chr9:71627448-71629039	0	0	0	1
XLOC_022872	BANCR	chr9:71911596-71921972	0	0	0	1
XLOC_022873	APBA1	chr9:72042448-72287275	0	0	0	1
XLOC_022875	LOC494558	chr9:72434320-72435655	0	0	0	1
XLOC_022876	LOC100507244	chr9:72658496-72873790	0	0	0	1
XLOC_022880	MIR204	chr9:73149965-73736514	0	0	0	1
XLOC_022883	C9orf57	chr9:74666296-74675521	0	0	0	1
XLOC_022890	MIR548H3	chr9:78118511-78338744	0	0	0	1
XLOC_022893	VPS13A-AS1	chr9:79791671-80032399	0	0	0	1
XLOC_022904	MIR7-1	chr9:86582997-86595569	0	0	0	1
XLOC_022905	SLC28A3	chr9:86890764-86983413	0	0	0	1
XLOC_022913	LOC494127	chr9:89698800-89700140	0	0	0	1
XLOC_022914	LOC392364	chr9:90472957-90473971	0	0	0	1

XLOC_022916	SPATA31C2	chr9:90744219-90749900	0	0	0	1
XLOC_022917	LOC286238	chr9:91262093-91267075	0	0	0	1
XLOC_022918	MIR4289	chr9:91360750-91360820	0	0	0	1
XLOC_022921	LOC286370	chr9:92782935-92803781	0	0	0	1
XLOC_022922	MIR4290	chr9:92782935-92803781	0	0	0	1
XLOC_022923	LOC340515	chr9:93224713-93345028	0	0	0	1
XLOC_022924	DIRAS2	chr9:93372113-93405108	0	0	0	1
XLOC_022928	MIR3910-2	chr9:94398532-94398643	0	0	0	1
XLOC_022929	ROR2	chr9:94484877-94712444	0	0	0	1
XLOC_022938	MIR4670	chr9:95059639-95432547	0	0	0	1
XLOC_022945	BARX1	chr9:96713908-96717608	0	0	0	1
XLOC_022949	FBP1	chr9:97365420-97402531	0	0	0	1
XLOC_022950	MIR3074	chr9:97488950-97849500	0	0	0	1
XLOC_022955	LOC158434	chr9:98868942-98878693	0	0	0	1
XLOC_022966	LOC286359	chr9:100153118-100158973	0	0	0	1
XLOC_022970	HEMGN	chr9:100689072-100707134	0	0	0	1
XLOC_022985	PPP3R2	chr9:104331633-104500862	0	0	0	1
XLOC_022986	OR13C4	chr9:107288533-107289490	0	0	0	1
XLOC_022987	OR13C3	chr9:107298050-107299094	0	0	0	1
XLOC_022988	OR13C5	chr9:107360737-107361694	0	0	0	1
XLOC_022989	OR13C2	chr9:107366951-107367908	0	0	0	1
XLOC_022990	OR13C9	chr9:107379528-107380485	0	0	0	1
XLOC_022992	MIR548Q	chr9:109625377-109848716	0	0	0	1
XLOC_022998	MIR32	chr9:111777414-111882225	0	0	0	1
XLOC_022999	FRRS1L	chr9:111899580-111929571	0	0	0	1
XLOC_023004	TXNDC8	chr9:113065866-113100125	0	0	0	1
XLOC_023006	LPAR1	chr9:113636053-113800365	0	0	0	1
XLOC_023007	OR2K2	chr9:114089762-114090713	0	0	0	1
XLOC_023010	LRR37A5P	chr9:114365110-114375833	0	0	0	1
XLOC_023026	AMBP	chr9:116822407-116840752	0	0	0	1
XLOC_023030	LOC100505478	chr9:117428713-117444369	0	0	0	1
XLOC_023032	TNFSF8	chr9:117655622-117692875	0	0	0	1
XLOC_023034	LINC00474	chr9:118650543-118687377	0	0	0	1
XLOC_023036	SNORA70C	chr9:119187503-120177317	0	0	0	1
XLOC_023037	DBC1	chr9:121928907-122131739	0	0	0	1
XLOC_023038	MIR147A	chr9:123007256-123007328	0	0	0	1
XLOC_023050	MIR4478	chr9:124882360-124882446	0	0	0	1
XLOC_023052	LHX6	chr9:124964855-124991091	0	0	0	1
XLOC_023054	OR1J1	chr9:125239236-125240205	0	0	0	1
XLOC_023055	OR1N1	chr9:125288636-125289572	0	0	0	1
XLOC_023056	OR1L8	chr9:125329826-125330756	0	0	0	1
XLOC_023057	OR1B1	chr9:125390857-125391814	0	0	0	1
XLOC_023060	SNORD90	chr9:125611731-125667562	0	0	0	1
XLOC_023066	MIR601	chr9:126141932-126692417	0	0	0	1
XLOC_023087	MIR4672	chr9:130628758-130640022	0	0	0	1
XLOC_023097	MIR199B	chr9:130928343-131017527	0	0	0	1
XLOC_023098	MIR3154	chr9:130928343-131017527	0	0	0	1
XLOC_023101	MIR219-2	chr9:131154896-131154993	0	0	0	1
XLOC_023111	C9orf50	chr9:132374503-132383055	0	0	0	1

XLOC_023130	GBGT1	chr9:136028339-136039301	0	0	0	1
XLOC_023131	OBP2B	chr9:136080665-136084628	0	0	0	1
XLOC_023139	TMEM8C	chr9:136379707-136390068	0	0	0	1
XLOC_023140	FAM163B	chr9:136443536-136445368	0	0	0	1
XLOC_023145	MIR3689A,MIR3689C	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023146	MIR3689C	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023147	MIR3689D1	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023148	MIR3689B	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023149	MIR3689D2	chr9:137741020-137742490	0	0	0	1
XLOC_023150	MIR3689F	chr9:137742587-137742653	0	0	0	1
XLOC_023151	FCN1	chr9:137801430-137809806	0	0	0	1
XLOC_023154	GLT6D1	chr9:138515501-138531386	0	0	0	1
XLOC_023170	MIR4673	chr9:139388895-139440238	0	0	0	1
XLOC_023171	MIR4674	chr9:139440624-139440711	0	0	0	1
XLOC_023175	LCN6	chr9:139638468-139644363	0	0	0	1
XLOC_023176	LCN8	chr9:139648839-139652731	0	0	0	1
XLOC_023190	MIR3621	chr9:140033608-140064491	0	0	0	1
XLOC_023233	LINC00685	chrX:281384-282054	0	0	0	1
XLOC_023234	SHOX	chrX:585078-620146	0	0	0	1
XLOC_023235	CSF2RA	chrX:1387692-1428828	0	0	0	1
XLOC_023236	MIR3690	chrX:1387692-1428828	0	0	0	1
XLOC_023237	IL3RA	chrX:1455508-1501582	0	0	0	1
XLOC_023238	ASMTL-AS1	chrX:1519423-1572655	0	0	0	1
XLOC_023239	AKAP17A,ASMT	chrX:1710485-1761974	0	0	0	1
XLOC_023240	CD99P1	chrX:2527305-2575270	0	0	0	1
XLOC_023241	CD99	chrX:2609227-2659350	0	0	0	1
XLOC_023243	GYG2	chrX:2746862-2800861	0	0	0	1
XLOC_023244	ARSH	chrX:2924653-2951426	0	0	0	1
XLOC_023245	ARSF	chrX:2958274-3030770	0	0	0	1
XLOC_023246	CXorf28	chrX:3189860-3202694	0	0	0	1
XLOC_023247	MIR4767	chrX:6966960-7066231	0	0	0	1
XLOC_023249	VCX	chrX:7810302-7812184	0	0	0	1
XLOC_023250	MIR651	chrX:8095005-8095102	0	0	0	1
XLOC_023256	CLCN4	chrX:10124984-10205699	0	0	0	1
XLOC_023258	AMELX	chrX:11155662-11683821	0	0	0	1
XLOC_023260	FRMPD4	chrX:12156584-12742642	0	0	0	1
XLOC_023263	TLR8	chrX:12920935-12961419	0	0	0	1
XLOC_023265	LOC100093698	chrX:13328770-13338518	0	0	0	1
XLOC_023266	LOC100133123	chrX:13353359-13359944	0	0	0	1
XLOC_023267	EGFL6	chrX:13587693-13651694	0	0	0	1
XLOC_023271	GLRA2	chrX:14547419-14749933	0	0	0	1
XLOC_023273	BMX	chrX:15518899-15574652	0	0	0	1
XLOC_023278	S100G	chrX:16606121-16731059	0	0	0	1
XLOC_023283	MIR4768	chrX:17393542-17754113	0	0	0	1
XLOC_023289	CNKSR2	chrX:21392535-21672813	0	0	0	1
XLOC_023294	ZNF645	chrX:22277913-23311263	0	0	0	1
XLOC_023295	DDX53	chrX:22277913-23311263	0	0	0	1
XLOC_023296	PTCHD1	chrX:23352984-23414918	0	0	0	1
XLOC_023302	SUPT20HL1	chrX:24380877-24383541	0	0	0	1

XLOC_023306	MAGEB18	chrX:26156459-26158853	0	0	0	1
XLOC_023307	MAGEB6	chrX:26210556-26213763	0	0	0	1
XLOC_023308	MAGEB5	chrX:26234285-26236387	0	0	0	1
XLOC_023309	VENTXP1	chrX:26576453-26579169	0	0	0	1
XLOC_023310	DCAF8L2	chrX:27764925-27766938	0	0	0	1
XLOC_023311	MAGEB10	chrX:27826106-27841131	0	0	0	1
XLOC_023312	IL1RAPL1	chrX:28605680-29974017	0	0	0	1
XLOC_023314	MAGEB3	chrX:30248552-30255610	0	0	0	1
XLOC_023315	MAGEB1,MAGEB	chrX:30260056-30270155	0	0	0	1
XLOC_023317	FAM47B	chrX:34960912-34963034	0	0	0	1
XLOC_023318	MAGEB16	chrX:35816458-35821852	0	0	0	1
XLOC_023319	CXorf22	chrX:35937850-36008269	0	0	0	1
XLOC_023320	CHDC2	chrX:36065052-36163187	0	0	0	1
XLOC_023322	FAM47C	chrX:37026431-37029739	0	0	0	1
XLOC_023327	CXorf27	chrX:37850069-37850570	0	0	0	1
XLOC_023328	SYTL5	chrX:37865834-37988073	0	0	0	1
XLOC_023333	MPC1L	chrX:40482817-40483388	0	0	0	1
XLOC_023337	GPR34	chrX:41374188-41782287	0	0	0	1
XLOC_023340	DUSP21	chrX:44703248-44704134	0	0	0	1
XLOC_023347	RGN	chrX:46937774-46952712	0	0	0	1
XLOC_023352	ZNF157	chrX:47229998-47273098	0	0	0	1
XLOC_023353	SNORA11C	chrX:47229998-47273098	0	0	0	1
XLOC_023356	MIR4769	chrX:47420498-47479256	0	0	0	1
XLOC_023358	CXXC1P1	chrX:47566589-47596027	0	0	0	1
XLOC_023360	SPACA5,SPACA5	chrX:47863733-47869128	0	0	0	1
XLOC_023361	SSX6	chrX:47967366-47980068	0	0	0	1
XLOC_023362	SPACA5,SPACA5	chrX:47986602-47991997	0	0	0	1
XLOC_023363	SSX1	chrX:48114796-48126879	0	0	0	1
XLOC_023364	SSX4B	chrX:48242956-48252785	0	0	0	1
XLOC_023373	GLOD5	chrX:48620153-48632064	0	0	0	1
XLOC_023374	GATA1	chrX:48644981-48652717	0	0	0	1
XLOC_023376	ERAS	chrX:48684922-48688279	0	0	0	1
XLOC_023383	GAGE10	chrX:49160124-49176311	0	0	0	1
XLOC_023384	GAGE12J	chrX:49178515-49185866	0	0	0	1
XLOC_023385	GAGE12D,GAGE	chrX:49188093-49313710	0	0	0	1
XLOC_023386	GAGE12D	chrX:49315880-49323262	0	0	0	1
XLOC_023387	GAGE12D,GAGE	chrX:49325433-49332821	0	0	0	1
XLOC_023388	GAGE12D,GAGE	chrX:49334991-49342370	0	0	0	1
XLOC_023389	GAGE12D	chrX:49344540-49351917	0	0	0	1
XLOC_023390	GAGE2A	chrX:49354117-49361430	0	0	0	1
XLOC_023391	GAGE1	chrX:49363615-49373139	0	0	0	1
XLOC_023392	PAGE4	chrX:49593905-49598570	0	0	0	1
XLOC_023395	MIR532	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023396	MIR188	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023397	MIR500A	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023398	MIR362	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023399	MIR501	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023400	MIR500B	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023401	MIR660	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1

XLOC_023402	MIR502	chrX:49687224-49863892	0	0	0	1
XLOC_023404	BMP15	chrX:50653734-50659641	0	0	0	1
XLOC_023405	NUDT10	chrX:51075082-51080377	0	0	0	1
XLOC_023406	CENPVP2	chrX:51453924-51455226	0	0	0	1
XLOC_023410	MAGED4	chrX:51927918-51935366	0	0	0	1
XLOC_023411	XAGE2,XAGE2B	chrX:52112077-52118822	0	0	0	1
XLOC_023412	XAGE1C,XAGE1E	chrX:52238809-52243953	0	0	0	1
XLOC_023413	XAGE1B,XAGE1C	chrX:52511760-52516904	0	0	0	1
XLOC_023414	SSX8	chrX:52651984-52662998	0	0	0	1
XLOC_023415	SSX2,SSX2B	chrX:52780307-52790617	0	0	0	1
XLOC_023416	XAGE5	chrX:52841227-52847322	0	0	0	1
XLOC_023417	FAM156A,FAM156B	chrX:52926321-52937585	0	0	0	1
XLOC_023424	SNORA11	chrX:54834170-54842445	0	0	0	1
XLOC_023428	PAGE2	chrX:55115496-55119260	0	0	0	1
XLOC_023429	PAGE5	chrX:55246790-55250541	0	0	0	1
XLOC_023430	MIR4536-1	chrX:55477892-55477953	0	0	0	1
XLOC_023431	MAGEH1	chrX:55478537-55479999	0	0	0	1
XLOC_023432	FOXR2	chrX:55649832-55652621	0	0	0	1
XLOC_023434	KLF8	chrX:56258821-56314322	0	0	0	1
XLOC_023441	MIR223	chrX:65238711-65238821	0	0	0	1
XLOC_023442	HEPH	chrX:65382432-65487230	0	0	0	1
XLOC_023443	AR	chrX:66763873-66950461	0	0	0	1
XLOC_023447	FAM155B	chrX:68725077-68752351	0	0	0	1
XLOC_023448	EDA	chrX:68835910-69259321	0	0	0	1
XLOC_023449	MIR676	chrX:68835910-69259321	0	0	0	1
XLOC_023450	OTUD6A	chrX:69282340-69284029	0	0	0	1
XLOC_023453	AWAT1	chrX:69454504-69460511	0	0	0	1
XLOC_023462	GJB1	chrX:70430034-70948962	0	0	0	1
XLOC_023468	FLJ46446	chrX:70430034-70948962	0	0	0	1
XLOC_023469	CXorf49B	chrX:70983139-70987051	0	0	0	1
XLOC_023470	NHSL2	chrX:71130937-71363424	0	0	0	1
XLOC_023472	FLJ44635	chrX:71364033-71381600	0	0	0	1
XLOC_023474	DMRTC1B	chrX:72064875-72068636	0	0	0	1
XLOC_023475	LINC00684	chrX:72158002-72158798	0	0	0	1
XLOC_023476	PABPC1L2B	chrX:72223351-72225551	0	0	0	1
XLOC_023477	CDX4	chrX:72667089-72674421	0	0	0	1
XLOC_023481	MIR374C	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023482	ZCCHC13	chrX:73524024-73524869	0	0	0	1
XLOC_023486	MAGEE1	chrX:75648045-75651746	0	0	0	1
XLOC_023487	FGF16	chrX:76709646-76712013	0	0	0	1
XLOC_023491	LPAR4	chrX:78003205-78012578	0	0	0	1
XLOC_023492	P2RY10	chrX:78200828-78217438	0	0	0	1
XLOC_023493	GPR174	chrX:78426468-78427726	0	0	0	1
XLOC_023494	TBX22	chrX:79270254-79287268	0	0	0	1
XLOC_023495	FAM46D	chrX:79591002-79700810	0	0	0	1
XLOC_023497	POU3F4	chrX:82763268-82764775	0	0	0	1
XLOC_023498	CYLC1	chrX:83116133-83141708	0	0	0	1
XLOC_023499	UBE2DNL	chrX:84189156-84189896	0	0	0	1
XLOC_023502	DACH2	chrX:85403454-86087605	0	0	0	1

XLOC_023503	KLHL4	chrX:86772714-86925050	0	0	0	1
XLOC_023504	CPXCR1	chrX:88002225-88009785	0	0	0	1
XLOC_023505	TGIF2LX	chrX:89176939-89177882	0	0	0	1
XLOC_023506	PABPC5	chrX:90689596-90693583	0	0	0	1
XLOC_023511	TNMD	chrX:99839789-99854882	0	0	0	1
XLOC_023514	ARL13A	chrX:100224696-100245820	0	0	0	1
XLOC_023515	TMEM35	chrX:100333835-100351355	0	0	0	1
XLOC_023523	NXF2B	chrX:101502093-101581634	0	0	0	1
XLOC_023531	TCEAL7	chrX:102585113-102587251	0	0	0	1
XLOC_023539	PLP1	chrX:103031438-103047547	0	0	0	1
XLOC_023540	TMSB15B	chrX:103139054-103401708	0	0	0	1
XLOC_023541	H2BFXP	chrX:103139054-103401708	0	0	0	1
XLOC_023542	H2BFM	chrX:103139054-103401708	0	0	0	1
XLOC_023543	ZCCHC18	chrX:103139054-103401708	0	0	0	1
XLOC_023545	IL1RAPL2	chrX:103810995-105011822	0	0	0	1
XLOC_023546	NRK	chrX:105066535-105202602	0	0	0	1
XLOC_023547	MUM1L1	chrX:105412297-105452949	0	0	0	1
XLOC_023549	RNF128	chrX:105937067-106040246	0	0	0	1
XLOC_023557	COL4A5	chrX:107683073-107940775	0	0	0	1
XLOC_023560	MIR3978	chrX:109245862-109421016	0	0	0	1
XLOC_023562	TDGF1P3	chrX:109763539-109766249	0	0	0	1
XLOC_023563	PAK3	chrX:110187512-110464173	0	0	0	1
XLOC_023564	DKFZp686D0853	chrX:110754889-110765627	0	0	0	1
XLOC_023566	TRPC5OS	chrX:111017541-111326004	0	0	0	1
XLOC_023567	ZCCHC16	chrX:111326252-111700473	0	0	0	1
XLOC_023568	HTR2C	chrX:113818550-114144624	0	0	0	1
XLOC_023569	SNORA35	chrX:113818550-114144624	0	0	0	1
XLOC_023570	MIR764	chrX:113818550-114144624	0	0	0	1
XLOC_023571	MIR1912	chrX:113818550-114144624	0	0	0	1
XLOC_023572	MIR1264	chrX:113818550-114144624	0	0	0	1
XLOC_023573	MIR1298	chrX:113818550-114144624	0	0	0	1
XLOC_023574	MIR1911	chrX:113818550-114144624	0	0	0	1
XLOC_023575	MIR448	chrX:113818550-114144624	0	0	0	1
XLOC_023576	RBMXL3	chrX:114345182-114468635	0	0	0	1
XLOC_023579	AGTR2	chrX:115301957-115306225	0	0	0	1
XLOC_023580	SLC6A14	chrX:115567746-115592625	0	0	0	1
XLOC_023582	MIR1277	chrX:117480035-117583923	0	0	0	1
XLOC_023585	ZCCHC12	chrX:117957786-117960931	0	0	0	1
XLOC_023594	RHOXF2B	chrX:119292466-119297945	0	0	0	1
XLOC_023596	ATP1B4	chrX:119495939-119517104	0	0	0	1
XLOC_023599	GRIA3	chrX:122318095-122624766	0	0	0	1
XLOC_023603	LOC100129520	chrX:124453968-124456950	0	0	0	1
XLOC_023604	CXorf64	chrX:125953746-125955768	0	0	0	1
XLOC_023606	XPNPEP2	chrX:128872945-128903525	0	0	0	1
XLOC_023607	SASH3	chrX:128913891-128929176	0	0	0	1
XLOC_023614	ARHGAP36	chrX:130192215-130223857	0	0	0	1
XLOC_023615	OR13H1	chrX:130678047-130678974	0	0	0	1
XLOC_023617	HS6ST2-AS1	chrX:131760037-132095423	0	0	0	1
XLOC_023618	CCDC160	chrX:133371076-133379808	0	0	0	1

XLOC_023623	SMIM10	chrX:134124967-134126503	0	0	0	1
XLOC_023624	FAM127A	chrX:134166332-134167575	0	0	0	1
XLOC_023626	LINC00086	chrX:134555867-134560225	0	0	0	1
XLOC_023628	CT45A1	chrX:134847184-134856988	0	0	0	1
XLOC_023629	CT45A2,CT45A3,(chrX:134866213-134891519	0	0	0	1
XLOC_023630	SAGE1	chrX:134975784-134995220	0	0	0	1
XLOC_023633	GPR112	chrX:135383121-135499047	0	0	0	1
XLOC_023634	BRS3	chrX:135570124-135574598	0	0	0	1
XLOC_023636	VGLL1	chrX:135614310-135638966	0	0	0	1
XLOC_023637	MIR934	chrX:135614310-135638966	0	0	0	1
XLOC_023638	LOC100128420	chrX:135721701-135724588	0	0	0	1
XLOC_023640	ZIC3	chrX:136648345-136654259	0	0	0	1
XLOC_023641	FGF13-AS1	chrX:137713733-138287185	0	0	0	1
XLOC_023642	SRD5A1P1	chrX:138528977-138531132	0	0	0	1
XLOC_023643	F9	chrX:138612894-138645617	0	0	0	1
XLOC_023644	LOC389895	chrX:139173825-139175070	0	0	0	1
XLOC_023645	RP1-177G6.2	chrX:139791923-139796996	0	0	0	1
XLOC_023646	SPANXB2	chrX:140084755-140085871	0	0	0	1
XLOC_023647	SPANXB1	chrX:140096760-140097876	0	0	0	1
XLOC_023649	SPANXA2	chrX:140590842-140738069	0	0	0	1
XLOC_023650	MAGEC3	chrX:140926101-140985618	0	0	0	1
XLOC_023651	MAGEC1	chrX:140991641-140997187	0	0	0	1
XLOC_023652	SPANXN4	chrX:142113703-142122066	0	0	0	1
XLOC_023653	UBE2NL	chrX:142967172-142968357	0	0	0	1
XLOC_023654	SPANXN1	chrX:144329106-144337728	0	0	0	1
XLOC_023656	TMEM257	chrX:144908927-144911370	0	0	0	1
XLOC_023657	CXorf51B	chrX:145891301-145891929	0	0	0	1
XLOC_023659	FMR1NB	chrX:147062848-147108187	0	0	0	1
XLOC_023660	AFF2	chrX:147582138-148082193	0	0	0	1
XLOC_023662	MAGEA11	chrX:148769902-148798928	0	0	0	1
XLOC_023663	HSFX2	chrX:148855725-148858528	0	0	0	1
XLOC_023664	MAGEA9B	chrX:148863592-148869399	0	0	0	1
XLOC_023667	MIR2114	chrX:149396238-149396318	0	0	0	1
XLOC_023668	MAMLD1	chrX:149531550-149682448	0	0	0	1
XLOC_023672	MIR4330	chrX:150336693-150336798	0	0	0	1
XLOC_023673	GPR50	chrX:150345055-150349937	0	0	0	1
XLOC_023675	PASD1	chrX:150732006-150845211	0	0	0	1
XLOC_023676	PRRG3	chrX:150863729-150870063	0	0	0	1
XLOC_023677	FATE1	chrX:150884507-150891664	0	0	0	1
XLOC_023678	CNGA2	chrX:150903217-150914036	0	0	0	1
XLOC_023680	GABRQ	chrX:151806636-151821825	0	0	0	1
XLOC_023682	MAGEA2,MAGEA	chrX:151883118-151887095	0	0	0	1
XLOC_023684	CSAG2,CSAG3	chrX:151927733-151928738	0	0	0	1
XLOC_023687	PNMA3	chrX:152224765-152228827	0	0	0	1
XLOC_023688	PNMA6C,PNMA6l	chrX:152240726-152243402	0	0	0	1
XLOC_023690	ZFP92	chrX:152683780-152687086	0	0	0	1
XLOC_023692	ATP2B3	chrX:152801579-152848387	0	0	0	1
XLOC_023699	AVPR2	chrX:153167984-153172620	0	0	0	1
XLOC_023701	MIR3202-1	chrX:153237990-153248646	0	0	0	1

XLOC_023703	OPN1MW	chrX:153448084-153462352	0	0	0	1
XLOC_023704	OPN1MW	chrX:153485202-153523564	0	0	0	1
XLOC_023715	FAM223B	chrX:153799478-153800188	0	0	0	1
XLOC_023716	CTAG1B	chrX:153813417-153815075	0	0	0	1
XLOC_023719	SNORA56	chrX:153991030-154005964	0	0	0	1
XLOC_023720	H2AFB1	chrX:154064063-154250998	0	0	0	1
XLOC_023725	H2AFB3	chrX:154610427-154610944	0	0	0	1
XLOC_023726	F8A1	chrX:154611748-154613450	0	0	0	1
XLOC_023727	MIR1184-3	chrX:154686574-154688276	0	0	0	1
XLOC_023728	TMLHE-AS1	chrX:154696200-154842622	0	0	0	1
XLOC_023729	SPRY3	chrX:154997450-155012117	0	0	0	1
XLOC_023730	VAMP7	chrX:155110942-155173433	0	0	0	1
XLOC_023731	IL9R	chrX:155227245-155240482	0	0	0	1
XLOC_023732	GTPBP6	chrX:221425-230887	0	0	0	1
XLOC_023733	PPP2R3B	chrX:294667-347690	0	0	0	1
XLOC_023734	CRLF2	chrX:1314886-1331530	0	0	0	1
XLOC_023735	SLC25A6	chrX:1505044-1511039	0	0	0	1
XLOC_023736	ASMTL	chrX:1519423-1572655	0	0	0	1
XLOC_023737	P2RY8	chrX:1581465-1656037	0	0	0	1
XLOC_023738	DHRXS,ZBED1	chrX:2137554-2419015	0	0	0	1
XLOC_023741	ARSE	chrX:2852672-2882494	0	0	0	1
XLOC_023742	MXRA5	chrX:3226608-3264684	0	0	0	1
XLOC_023745	NLGN4X	chrX:5808082-6146706	0	0	0	1
XLOC_023746	MIR4770	chrX:6301946-6302004	0	0	0	1
XLOC_023750	VCX2	chrX:8137984-8139308	0	0	0	1
XLOC_023751	KAL1	chrX:8496914-8700227	0	0	0	1
XLOC_023752	FAM9A	chrX:8758836-8769424	0	0	0	1
XLOC_023753	FAM9B	chrX:8993036-9001116	0	0	0	1
XLOC_023756	ARHGAP6	chrX:11155662-11683821	0	0	0	1
XLOC_023757	TLR8-AS1	chrX:12920935-12961419	0	0	0	1
XLOC_023758	FAM9C	chrX:13053735-13062917	0	0	0	1
XLOC_023759	ATXN3L	chrX:13328770-13338518	0	0	0	1
XLOC_023764	ASB9	chrX:15262108-15288589	0	0	0	1
XLOC_023765	ASB11	chrX:15299830-15333746	0	0	0	1
XLOC_023774	RAI2	chrX:17818168-17879457	0	0	0	1
XLOC_023776	SCML2	chrX:18257432-18372844	0	0	0	1
XLOC_023777	RS1	chrX:18443724-18690223	0	0	0	1
XLOC_023783	LOC729609	chrX:20004934-20007897	0	0	0	1
XLOC_023785	MIR23C	chrX:20024830-20135114	0	0	0	1
XLOC_023789	KLHL34	chrX:21673608-21676448	0	0	0	1
XLOC_023790	SMPX	chrX:21724089-21776278	0	0	0	1
XLOC_023791	PHEX-AS1	chrX:22050920-22266478	0	0	0	1
XLOC_023792	LOC100873065	chrX:22277913-23311263	0	0	0	1
XLOC_023796	ZFX-AS1	chrX:24164341-24234372	0	0	0	1
XLOC_023797	SUPT20HL2	chrX:24328978-24331432	0	0	0	1
XLOC_023798	PCYT1B	chrX:24576203-24690979	0	0	0	1
XLOC_023799	ARX	chrX:25021812-25034065	0	0	0	1
XLOC_023800	SMEK3P	chrX:27478327-27481458	0	0	0	1
XLOC_023801	DCAF8L1	chrX:27996109-27999566	0	0	0	1

XLOC_023802	NR0B1	chrX:30322538-30327495	0	0	0	1
XLOC_023803	CXorf21	chrX:30576940-30596033	0	0	0	1
XLOC_023805	FTHL17	chrX:31089357-31090170	0	0	0	1
XLOC_023806	DMD	chrX:31137344-33357726	0	0	0	1
XLOC_023807	FAM47A	chrX:34147868-34150447	0	0	0	1
XLOC_023808	TMEM47	chrX:34645180-34675405	0	0	0	1
XLOC_023813	LOC286442	chrX:39164209-39186616	0	0	0	1
XLOC_023817	LOC100132831	chrX:40690469-40692449	0	0	0	1
XLOC_023819	PPP1R2P9	chrX:42636616-42637486	0	0	0	1
XLOC_023820	MAOB	chrX:43625856-43741721	0	0	0	1
XLOC_023821	NDP	chrX:43808023-43832921	0	0	0	1
XLOC_023822	EFHC2	chrX:44007127-44202923	0	0	0	1
XLOC_023826	MIR222	chrX:45606420-45606530	0	0	0	1
XLOC_023838	SSX5	chrX:48045655-48056199	0	0	0	1
XLOC_023839	SSX9	chrX:48160984-48165614	0	0	0	1
XLOC_023840	SSX3	chrX:48205862-48216142	0	0	0	1
XLOC_023841	SSX4B	chrX:48261523-48271355	0	0	0	1
XLOC_023843	PCSK1N	chrX:48689503-48694036	0	0	0	1
XLOC_023856	CACNA1F	chrX:49061522-49089833	0	0	0	1
XLOC_023858	PAGE1	chrX:49452053-49460596	0	0	0	1
XLOC_023860	AKAP4	chrX:49955410-49965664	0	0	0	1
XLOC_023861	DGKK	chrX:50111878-50213721	0	0	0	1
XLOC_023863	NUDT11	chrX:51232862-51239459	0	0	0	1
XLOC_023864	CENPVP2	chrX:51424145-51425447	0	0	0	1
XLOC_023865	MAGED4,MAGED	chrX:51804922-51812368	0	0	0	1
XLOC_023866	SNORA11D	chrX:51804922-51812368	0	0	0	1
XLOC_023867	SNORA11E	chrX:51927918-51935366	0	0	0	1
XLOC_023868	XAGE1B,XAGE1C	chrX:52255219-52260363	0	0	0	1
XLOC_023869	XAGE2,XAGE2B	chrX:52380351-52387096	0	0	0	1
XLOC_023870	XAGE1C	chrX:52528159-52533303	0	0	0	1
XLOC_023871	XAGE1A,XAGE1C	chrX:52541053-52546197	0	0	0	1
XLOC_023872	SSX7	chrX:52673110-52683950	0	0	0	1
XLOC_023873	SSX2	chrX:52725945-52736249	0	0	0	1
XLOC_023874	SPANXN5	chrX:52825185-52826388	0	0	0	1
XLOC_023875	XAGE3	chrX:52891557-52897119	0	0	0	1
XLOC_023882	MIR98	chrX:53559056-53713697	0	0	0	1
XLOC_023883	MIRLET7F2	chrX:53559056-53713697	0	0	0	1
XLOC_023888	ITIH6	chrX:54775331-54824673	0	0	0	1
XLOC_023890	ALAS2	chrX:55035487-55057497	0	0	0	1
XLOC_023893	PAGE3	chrX:55284848-55291165	0	0	0	1
XLOC_023894	USP51	chrX:55511048-55515631	0	0	0	1
XLOC_023898	SPIN2A	chrX:57162082-57164058	0	0	0	1
XLOC_023899	ZXDA	chrX:57931863-57937067	0	0	0	1
XLOC_023903	MIR1468	chrX:63005881-63005967	0	0	0	1
XLOC_023905	ASB12	chrX:63444071-63450511	0	0	0	1
XLOC_023906	MTMR8	chrX:63487960-63615333	0	0	0	1
XLOC_023909	FRMD8P1	chrX:64770501-64772301	0	0	0	1
XLOC_023910	VSIG4	chrX:65241579-65259967	0	0	0	1
XLOC_023914	AWAT2	chrX:69260391-69269788	0	0	0	1

XLOC_023915	P2RY4	chrX:69478015-69479654	0	0	0	1
XLOC_023917	TEX11	chrX:69748789-70128567	0	0	0	1
XLOC_023918	SLC7A3	chrX:70145429-70150975	0	0	0	1
XLOC_023920	CXorf65	chrX:70323738-70326638	0	0	0	1
XLOC_023926	CXorf49B	chrX:70430034-70948962	0	0	0	1
XLOC_023933	LINC00684	chrX:72001688-72002484	0	0	0	1
XLOC_023934	DMRTC1B	chrX:72091858-72095622	0	0	0	1
XLOC_023936	PABPC1L2A	chrX:72297176-72299351	0	0	0	1
XLOC_023938	NAP1L2	chrX:72432136-72434710	0	0	0	1
XLOC_023942	MIR421	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023943	MIR374B	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023944	MIR545	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023945	MIR374A	chrX:73164158-73513409	0	0	0	1
XLOC_023947	KIAA2022	chrX:73952690-74145287	0	0	0	1
XLOC_023951	MAGEE2	chrX:75002822-75005079	0	0	0	1
XLOC_023952	MIR384	chrX:76139697-76139785	0	0	0	1
XLOC_023957	CYSLTR1	chrX:77528129-77583087	0	0	0	1
XLOC_023958	ZCCHC5	chrX:77911565-77914825	0	0	0	1
XLOC_023959	MIR4328	chrX:78156690-78156746	0	0	0	1
XLOC_023960	ITM2A	chrX:78615880-78623049	0	0	0	1
XLOC_023964	HDX	chrX:83572881-83757487	0	0	0	1
XLOC_023966	POF1B	chrX:84532394-84634748	0	0	0	1
XLOC_023968	NAP1L3	chrX:92925924-92928682	0	0	0	1
XLOC_023969	LOC643486	chrX:95592084-95592901	0	0	0	1
XLOC_023970	LOC442459	chrX:98716599-99194841	0	0	0	1
XLOC_023983	NXF5	chrX:101087084-101112549	0	0	0	1
XLOC_023987	NXF2	chrX:101615315-101694929	0	0	0	1
XLOC_023988	TMSB15A	chrX:101768609-101771699	0	0	0	1
XLOC_023989	BEX1	chrX:102317580-102319168	0	0	0	1
XLOC_023990	NXF3	chrX:102330749-102348022	0	0	0	1
XLOC_023993	BEX2	chrX:102564273-102565974	0	0	0	1
XLOC_023996	GLRA4	chrX:102962271-102983552	0	0	0	1
XLOC_023999	H2BFWT	chrX:103139054-103401708	0	0	0	1
XLOC_024000	H2BFXP	chrX:103139054-103401708	0	0	0	1
XLOC_024002	ESX1	chrX:103494718-103499599	0	0	0	1
XLOC_024003	TEX13A	chrX:103810995-105011822	0	0	0	1
XLOC_024004	SERPINA7	chrX:105277189-105282718	0	0	0	1
XLOC_024008	NUP62CL	chrX:106366656-106449670	0	0	0	1
XLOC_024010	TEX13B	chrX:107224093-107225600	0	0	0	1
XLOC_024013	IRS4	chrX:107975726-107979607	0	0	0	1
XLOC_024014	GUCY2F	chrX:108616134-108725285	0	0	0	1
XLOC_024018	SNORD96B	chrX:109437413-109699562	0	0	0	1
XLOC_024019	CHRDL1	chrX:109917083-110039286	0	0	0	1
XLOC_024020	CAPN6	chrX:110488326-110513774	0	0	0	1
XLOC_024021	DCX	chrX:110537006-110664835	0	0	0	1
XLOC_024022	RNU6-28	chrX:110537006-110664835	0	0	0	1
XLOC_024023	TRPC5	chrX:111017541-111326004	0	0	0	1
XLOC_024024	LHFPL1	chrX:111873878-111923375	0	0	0	1
XLOC_024026	MIR4329	chrX:112018104-112084043	0	0	0	1

XLOC_024028	LRCH2	chrX:114345182-114468635	0	0	0	1
XLOC_024029	CXorf61	chrX:115592852-115594194	0	0	0	1
XLOC_024030	KLHL13	chrX:117031775-117251303	0	0	0	1
XLOC_024036	MIR766	chrX:118749687-118827333	0	0	0	1
XLOC_024042	RHOXF2B	chrX:119206228-119211707	0	0	0	1
XLOC_024043	RHOXF1	chrX:119243010-119249847	0	0	0	1
XLOC_024049	CT47B1	chrX:120006451-120009779	0	0	0	1
XLOC_024050	CT47A1,CT47A4	chrX:120011344-120066151	0	0	0	1
XLOC_024051	CT47A8	chrX:120067694-120071012	0	0	0	1
XLOC_024052	CT47A11	chrX:120072555-120075873	0	0	0	1
XLOC_024053	CT47A5	chrX:120077415-120080733	0	0	0	1
XLOC_024054	CT47A3	chrX:120082276-120085594	0	0	0	1
XLOC_024055	CT47A7	chrX:120087136-120090454	0	0	0	1
XLOC_024056	CT47A1,CT47A2,(chrX:120092019-120100198	0	0	0	1
XLOC_024057	CT47A2	chrX:120101740-120105058	0	0	0	1
XLOC_024058	CT47A9	chrX:120106600-120109918	0	0	0	1
XLOC_024059	CT47A8	chrX:120111460-120114778	0	0	0	1
XLOC_024060	CT47A6	chrX:120116320-120119638	0	0	0	1
XLOC_024062	TENM1	chrX:123509755-124097666	0	0	0	1
XLOC_024063	DCAF12L2	chrX:125297481-125300080	0	0	0	1
XLOC_024064	DCAF12L1	chrX:125683365-125686842	0	0	0	1
XLOC_024072	GPR119	chrX:129518318-129519511	0	0	0	1
XLOC_024076	FRMD7	chrX:131211020-131262050	0	0	0	1
XLOC_024079	HS6ST2	chrX:131760037-132095423	0	0	0	1
XLOC_024080	USP26	chrX:132159506-132162300	0	0	0	1
XLOC_024081	TFDP3	chrX:132350696-132352376	0	0	0	1
XLOC_024083	GPC3	chrX:132669775-133119673	0	0	0	1
XLOC_024084	MIR363	chrX:133303407-133303482	0	0	0	1
XLOC_024085	MIR92A2	chrX:133303567-133303642	0	0	0	1
XLOC_024086	MIR19B2	chrX:133303700-133303796	0	0	0	1
XLOC_024087	MIR20B	chrX:133303838-133303907	0	0	0	1
XLOC_024088	MIR18B	chrX:133304070-133304141	0	0	0	1
XLOC_024089	MIR106A	chrX:133304227-133304308	0	0	0	1
XLOC_024090	MIR450B	chrX:133674214-133674292	0	0	0	1
XLOC_024091	MIR450A1	chrX:133674370-133674461	0	0	0	1
XLOC_024092	MIR450A2	chrX:133674537-133674637	0	0	0	1
XLOC_024093	MIR542	chrX:133675370-133675467	0	0	0	1
XLOC_024094	MGC16121,MIR42	chrX:133677406-133680741	0	0	0	1
XLOC_024095	MIR503	chrX:133677406-133680741	0	0	0	1
XLOC_024099	FAM127C	chrX:134154533-134156566	0	0	0	1
XLOC_024100	FAM127B	chrX:134184962-134186221	0	0	0	1
XLOC_024101	LINC00087	chrX:134229014-134232733	0	0	0	1
XLOC_024102	LINC00633	chrX:134252881-134254405	0	0	0	1
XLOC_024105	CT45A4	chrX:134928696-134936735	0	0	0	1
XLOC_024106	CT45A5	chrX:134945650-134953994	0	0	0	1
XLOC_024107	CT45A6	chrX:134963214-134971244	0	0	0	1
XLOC_024112	SNORD61	chrX:135951352-135962939	0	0	0	1
XLOC_024113	GPR101	chrX:136112306-136113833	0	0	0	1
XLOC_024114	LOC158696	chrX:137696891-137699799	0	0	0	1

XLOC_024116	MIR504	chrX:137713733-138287185	0	0	0	1
XLOC_024119	MIR505	chrX:139006306-139006390	0	0	0	1
XLOC_024120	CXorf66	chrX:139037883-139047677	0	0	0	1
XLOC_024121	SOX3	chrX:139585151-139587225	0	0	0	1
XLOC_024122	CDR1	chrX:139865424-139866723	0	0	0	1
XLOC_024123	MIR320D2	chrX:140008336-140008384	0	0	0	1
XLOC_024124	LDOC1	chrX:140269930-140271310	0	0	0	1
XLOC_024126	SPANXA2	chrX:140590842-140738069	0	0	0	1
XLOC_024128	MAGEC2	chrX:141290127-141293076	0	0	0	1
XLOC_024129	SPANXN3	chrX:142596563-142605307	0	0	0	1
XLOC_024130	SLITRK4	chrX:142710594-142723926	0	0	0	1
XLOC_024131	SPANXN2	chrX:142795054-142804516	0	0	0	1
XLOC_024132	MIR890	chrX:145075792-145075869	0	0	0	1
XLOC_024133	MIR888	chrX:145076301-145076378	0	0	0	1
XLOC_024134	MIR892A	chrX:145078186-145078261	0	0	0	1
XLOC_024135	MIR892B	chrX:145078715-145078792	0	0	0	1
XLOC_024136	MIR891B	chrX:145082570-145082649	0	0	0	1
XLOC_024137	MIR891A	chrX:145109311-145109390	0	0	0	1
XLOC_024138	CXorf51A	chrX:145895621-145896249	0	0	0	1
XLOC_024139	MIR506	chrX:146312237-146312361	0	0	0	1
XLOC_024140	MIR507	chrX:146312501-146312595	0	0	0	1
XLOC_024141	MIR508	chrX:146318430-146318545	0	0	0	1
XLOC_024142	MIR514B	chrX:146331668-146331748	0	0	0	1
XLOC_024143	MIR509-1	chrX:146340277-146340368	0	0	0	1
XLOC_024144	MIR509-3	chrX:146341169-146341244	0	0	0	1
XLOC_024145	MIR509-1	chrX:146342049-146342143	0	0	0	1
XLOC_024146	MIR510	chrX:146353852-146353926	0	0	0	1
XLOC_024147	MIR514A1	chrX:146360764-146360862	0	0	0	1
XLOC_024148	MIR514A2	chrX:146363460-146363548	0	0	0	1
XLOC_024149	MIR514A3	chrX:146366158-146366246	0	0	0	1
XLOC_024153	MAGEA9B	chrX:148663308-148669116	0	0	0	1
XLOC_024154	HSFX2	chrX:148674171-148676974	0	0	0	1
XLOC_024158	GABRE	chrX:151121595-151143151	0	0	0	1
XLOC_024159	MIR452	chrX:151121595-151143151	0	0	0	1
XLOC_024161	GABRA3	chrX:151335633-151619831	0	0	0	1
XLOC_024162	MIR105-1	chrX:151335633-151619831	0	0	0	1
XLOC_024163	MIR767	chrX:151335633-151619831	0	0	0	1
XLOC_024164	MIR105-2	chrX:151335633-151619831	0	0	0	1
XLOC_024165	CSAG2,CSAG3	chrX:151876742-151877747	0	0	0	1
XLOC_024166	MAGEA12	chrX:151895977-151903184	0	0	0	1
XLOC_024167	MAGEA2,MAGEA	chrX:151918387-151922364	0	0	0	1
XLOC_024168	MAGEA3	chrX:151934651-151938240	0	0	0	1
XLOC_024171	PNMA6D	chrX:152243995-152246070	0	0	0	1
XLOC_024172	MAGEA1	chrX:152481521-152486116	0	0	0	1
XLOC_024179	PDZD4	chrX:153067622-153096003	0	0	0	1
XLOC_024185	MIR3202-2	chrX:153237990-153248646	0	0	0	1
XLOC_024187	MIR718	chrX:153285370-153285440	0	0	0	1
XLOC_024189	TEX28	chrX:153485202-153523564	0	0	0	1
XLOC_024197	CTAG1A	chrX:153845864-153847522	0	0	0	1

XLOC_024199	CTAG2	chrX:153880245-153881853	0	0	0	1
XLOC_024202	SMIM9	chrX:154051622-154062937	0	0	0	1
XLOC_024204	MIR1184-1	chrX:154064063-154250998	0	0	0	1
XLOC_024209	MIR1184-3	chrX:154611748-154613450	0	0	0	1
XLOC_024210	F8A1	chrX:154686574-154688276	0	0	0	1
XLOC_024211	H2AFB3	chrX:154689079-154689596	0	0	0	1
XLOC_024213	PLCXD1	chrY:142990-170022	0	0	0	1
XLOC_024214	LINC00685	chrY:231384-232054	0	0	0	1
XLOC_024215	SHOX	chrY:535078-570146	0	0	0	1
XLOC_024216	CSF2RA	chrY:1337692-1378828	0	0	0	1
XLOC_024217	MIR3690	chrY:1337692-1378828	0	0	0	1
XLOC_024218	IL3RA	chrY:1405508-1451582	0	0	0	1
XLOC_024219	ASMTL-AS1	chrY:1469423-1522655	0	0	0	1
XLOC_024220	AKAP17A,ASMT	chrY:1660485-1711974	0	0	0	1
XLOC_024221	CD99P1	chrY:2477305-2525270	0	0	0	1
XLOC_024222	CD99	chrY:2559227-2609350	0	0	0	1
XLOC_024223	XGPY2	chrY:2620336-2643037	0	0	0	1
XLOC_024224	RPS4Y1	chrY:2709622-2734997	0	0	0	1
XLOC_024225	ZFY	chrY:2803111-2850547	0	0	0	1
XLOC_024226	LINC00278	chrY:2871036-2970313	0	0	0	1
XLOC_024227	TGIF2LY	chrY:3447125-3448082	0	0	0	1
XLOC_024229	TSPY2	chrY:6114263-6117053	0	0	0	1
XLOC_024230	TTY1B	chrY:6258441-6296485	0	0	0	1
XLOC_024231	TTY21	chrY:6311474-6315118	0	0	0	1
XLOC_024232	TTY7,TTY7B	chrY:6317508-6325947	0	0	0	1
XLOC_024233	TBL1Y	chrY:6778726-6959724	0	0	0	1
XLOC_024234	PRKY	chrY:7142012-7249588	0	0	0	1
XLOC_024235	TTY12	chrY:7672964-7678723	0	0	0	1
XLOC_024236	TTY19	chrY:8572512-8573324	0	0	0	1
XLOC_024237	TSPY3,TSPY4,TS	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024238	TSPY1	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024239	TTY8B	chrY:9528708-9531308	0	0	0	1
XLOC_024240	TTY2	chrY:9573894-9611928	0	0	0	1
XLOC_024241	TTY22	chrY:9638761-9650854	0	0	0	1
XLOC_024242	TTY23B	chrY:9748406-9749571	0	0	0	1
XLOC_024243	TTY15	chrY:14774297-14804153	0	0	0	1
XLOC_024244	USP9Y	chrY:14813159-14972768	0	0	0	1
XLOC_024245	DDX3Y	chrY:15016018-15032390	0	0	0	1
XLOC_024246	TMSB4Y	chrY:15815446-15817902	0	0	0	1
XLOC_024247	VCY	chrY:16168097-16168838	0	0	0	1
XLOC_024248	NLGN4Y	chrY:16634487-16955848	0	0	0	1
XLOC_024249	FAM41AY1	chrY:19612837-19628622	0	0	0	1
XLOC_024250	CDY2A,CDY2B	chrY:20137666-20139627	0	0	0	1
XLOC_024251	XKRY	chrY:20297334-20298915	0	0	0	1
XLOC_024252	FAM224A,FAM22	chrY:20488418-20492736	0	0	0	1
XLOC_024253	HSFY1,HSFY2	chrY:20708556-20752407	0	0	0	1
XLOC_024254	TTY9A	chrY:20891767-20935621	0	0	0	1
XLOC_024255	TXLNG2P	chrY:21729243-21769056	0	0	0	1
XLOC_024256	EIF1AY	chrY:22737610-22755040	0	0	0	1

XLOC_024257	RPS4Y2	chrY:22917953-22942918	0	0	0	1
XLOC_024258	RBM1B	chrY:23673223-23687672	0	0	0	1
XLOC_024259	RBM1B	chrY:23696764-23711212	0	0	0	1
XLOC_024260	TTY6,TTY6B	chrY:24291111-24292981	0	0	0	1
XLOC_024261	RBM1F,RBM1J	chrY:24455005-24564028	0	0	0	1
XLOC_024262	PRY2	chrY:24636543-24660784	0	0	0	1
XLOC_024263	TTY17C	chrY:24997730-24998862	0	0	0	1
XLOC_024264	TTY4	chrY:25082601-25119431	0	0	0	1
XLOC_024265	BPY2	chrY:25130409-25151610	0	0	0	1
XLOC_024266	DAZ2,DAZ3,DAZ4	chrY:25365580-25437503	0	0	0	1
XLOC_024267	TTY17C	chrY:26631478-26632610	0	0	0	1
XLOC_024268	TTY4	chrY:26716348-26753172	0	0	0	1
XLOC_024269	BPY2	chrY:26764150-26785352	0	0	0	1
XLOC_024270	DAZ2,DAZ3,DAZ4	chrY:26979966-27053187	0	0	0	1
XLOC_024271	GOLGA2P2Y	chrY:27601457-27606322	0	0	0	1
XLOC_024272	CSPG4P1Y	chrY:27629054-27632852	0	0	0	1
XLOC_024273	CDY1	chrY:27768263-27771048	0	0	0	1
XLOC_024274	TTY3	chrY:27874636-27879535	0	0	0	1
XLOC_024275	SPRY3	chrY:59100456-59115123	0	0	0	1
XLOC_024276	VAMP7	chrY:59213948-59276439	0	0	0	1
XLOC_024277	IL9R	chrY:59330251-59343488	0	0	0	1
XLOC_024278	GTPBP6	chrY:171425-180887	0	0	0	1
XLOC_024279	PPP2R3B	chrY:244667-297690	0	0	0	1
XLOC_024280	CRLF2	chrY:1264886-1281530	0	0	0	1
XLOC_024281	SLC25A6	chrY:1455044-1461039	0	0	0	1
XLOC_024282	ASMTL	chrY:1469423-1522655	0	0	0	1
XLOC_024283	P2RY8	chrY:1531465-1606037	0	0	0	1
XLOC_024284	DHRX,ZBED1	chrY:2087554-2369015	0	0	0	1
XLOC_024285	SRY	chrY:2654895-2655792	0	0	0	1
XLOC_024286	TTY23B	chrY:6110486-6111651	0	0	0	1
XLOC_024287	TTY2	chrY:6258441-6296485	0	0	0	1
XLOC_024288	TTY8B	chrY:6339071-6341671	0	0	0	1
XLOC_024289	AMELY	chrY:6733958-6742068	0	0	0	1
XLOC_024290	TTY16	chrY:7567397-7569288	0	0	0	1
XLOC_024291	TTY18	chrY:8551410-8551919	0	0	0	1
XLOC_024292	TTY11	chrY:8651358-8685423	0	0	0	1
XLOC_024293	RBM1A3P	chrY:9154669-9160483	0	0	0	1
XLOC_024294	TTY20	chrY:9167488-9172441	0	0	0	1
XLOC_024295	FAM197Y5	chrY:9187188-9192791	0	0	0	1
XLOC_024296	FAM197Y5	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024297	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024298	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024299	FAM197Y2	chrY:9195451-9368285	0	0	0	1
XLOC_024300	RBM13AP	chrY:9448329-9452762	0	0	0	1
XLOC_024301	TTY7,TTY7B	chrY:9544432-9552871	0	0	0	1
XLOC_024302	TTY21	chrY:9555261-9558905	0	0	0	1
XLOC_024303	TTY1B	chrY:9573894-9611928	0	0	0	1
XLOC_024305	UTY	chrY:15360258-15592550	0	0	0	1
XLOC_024306	VCY	chrY:16097651-16098392	0	0	0	1

XLOC_024307	NLGN4Y-AS1	chrY:16634487-16955848	0	0	0	1
XLOC_024308	FAM224A,FAM22	chrY:19687040-19691353	0	0	0	1
XLOC_024309	XKRY2	chrY:19880859-19882440	0	0	0	1
XLOC_024310	CDY2A,CDY2B	chrY:19990139-19992100	0	0	0	1
XLOC_024311	FAM41AY2	chrY:20551155-20566932	0	0	0	1
XLOC_024312	TTY9B	chrY:20708556-20752407	0	0	0	1
XLOC_024313	HSFY1,HSFY2	chrY:20891767-20935621	0	0	0	1
XLOC_024314	NCRNA00185	chrY:21034386-21040114	0	0	0	1
XLOC_024315	TTY14	chrY:21094584-21239302	0	0	0	1
XLOC_024317	BCORP1	chrY:21617316-21665039	0	0	0	1
XLOC_024318	KDM5D	chrY:21867300-21906825	0	0	0	1
XLOC_024319	TTY10	chrY:22627553-22681114	0	0	0	1
XLOC_024320	RBMV2EP	chrY:23557033-23563448	0	0	0	1
XLOC_024321	TTY13	chrY:23745485-23756552	0	0	0	1
XLOC_024322	RBMV1B	chrY:24026222-24040673	0	0	0	1
XLOC_024323	RBMV1B	chrY:24049764-24064214	0	0	0	1
XLOC_024324	PRY	chrY:24217902-24242154	0	0	0	1
XLOC_024325	RBMV1J	chrY:24314688-24329089	0	0	0	1
XLOC_024326	TTY5	chrY:24442944-24445023	0	0	0	1
XLOC_024327	TTY6,TTY6B	chrY:24585736-24587606	0	0	0	1
XLOC_024328	DAZ1,DAZ4	chrY:25275501-25345254	0	0	0	1
XLOC_024329	TTY3B	chrY:26082873-26087769	0	0	0	1
XLOC_024330	CDY1	chrY:26191376-26194161	0	0	0	1
XLOC_024331	CSPG4P1Y	chrY:26329580-26333378	0	0	0	1
XLOC_024332	GOLGA2P2Y	chrY:26356113-26360978	0	0	0	1
XLOC_024333	DAZ3,DAZ4	chrY:26909215-26959639	0	0	0	1
XLOC_024334	BPY2C	chrY:27177049-27198251	0	0	0	1
XLOC_024335	TTY4B	chrY:27209229-27246039	0	0	0	1
XLOC_024336	TTY17B	chrY:27329789-27330920	0	0	0	1
XLOC_003639	RAB1B	chr11:66036055-66044963	151.169	151.171	1.77E-05	0.999934
XLOC_012633	SMARCAL1	chr2:217277136-217347774	7.82428	7.82449	3.99E-05	1
XLOC_007145	BAHD1	chr15:40733410-40760441	10.0864	10.0875	0.000156792	0.999404
XLOC_016177	NAT8L	chr4:2061238-2070816	0.0178157	0.0178183	0.000212121	1
XLOC_012828	KIF3C	chr2:26149454-26205443	2.47596	2.47636	0.000231143	0.999234
XLOC_016831	WDFY3	chr4:85590692-85887544	0.929125	0.929329	0.000316857	0.999234
XLOC_014918	TRNT1	chr3:3168599-3190706	8.05753	8.06006	0.000452452	0.999274
XLOC_007173	CCNDBP1	chr15:43477465-43489375	10.7382	10.7418	0.000476011	0.999234
XLOC_005711	DDX54	chr12:113587662-113623284	32.5716	32.5829	0.000500407	0.999282
XLOC_009016	SOCS7	chr17:36508006-36561846	1.87426	1.87491	0.000503351	0.999234
XLOC_002808	KIN	chr10:7792924-7829990	2.02576	2.02651	0.000533352	0.999398
XLOC_006782	LOC100288846	chr14:39734475-39820397	0.526973	0.527185	0.000580379	0.994593
XLOC_010112	NDUFV2	chr18:9102627-9134343	166.813	166.881	0.000583658	0.999234
XLOC_008525	LOC730183	chr16:30709024-30709810	2.6414	2.64249	0.00059688	0.994582
XLOC_014964	CCDC174	chr3:14693252-14714166	5.08684	5.08906	0.000630944	0.999234
XLOC_007831	FAM195A	chr16:691848-698474	108.94	108.989	0.000650434	0.999234
XLOC_003491	RTN4RL2	chr11:57228338-57244384	23.4928	23.5034	0.000656546	0.999234
XLOC_013736	RBM38	chr20:55904830-55998278	37.5773	37.5958	0.000709914	0.999274
XLOC_006036	PARP4	chr13:24995068-25086948	14.0133	14.0206	0.000751054	0.999234
XLOC_000344	CCDC24	chr1:44457279-44497164	8.16984	8.1741	0.000752137	0.999234

XLOC_021418	MNX1	chr7:156797546-156803347	17.8105	17.8211	0.000855075	0.999234
XLOC_009780	CCDC43	chr17:42754804-42767165	7.49734	7.50181	0.000859345	0.999234
XLOC_005655	NUP37	chr12:102467972-102512361	33.3539	33.3738	0.000860951	0.999234
XLOC_010896	TMEM145	chr19:42817476-42829214	27.2413	27.2585	0.00090706	0.999234
XLOC_015105	DAG1	chr3:49506135-49573051	10.7455	10.7525	0.000936072	0.999234
XLOC_018216	STK19	chr6:31937587-31949223	6.14779	6.15182	0.000945133	0.99934
XLOC_017236	ANKRD32	chr5:93954390-94031573	0.758875	0.7594	0.000997894	0.998609
XLOC_017598	GOLPH3	chr5:32124823-32174425	17.2437	17.2566	0.0010822	0.999234
XLOC_006325	BRMS1L	chr14:36295596-36341169	2.18537	2.18704	0.00110528	0.999234
XLOC_020377	ARL4A	chr7:12726451-12730558	3.1586	3.16103	0.00110955	0.999234
XLOC_014908	LMF2	chr22:50941375-50946135	51.7422	51.7828	0.00113223	0.999234
XLOC_000240	PTPRU	chr1:29563027-29653325	12.3941	12.4039	0.00113985	0.999234
XLOC_012131	TTC27	chr2:32853086-33046118	8.09152	8.09811	0.00117463	0.999234
XLOC_024011	PSMD10	chrX:107327434-107334874	28.8731	28.8972	0.00120639	0.999234
XLOC_016786	ANKRD17	chr4:73940501-74124502	5.4047	5.40933	0.00123415	0.999234
XLOC_017868	PCDH12	chr5:141324529-141338627	0.0194095	0.0194263	0.00124144	1
XLOC_006290	DHRS4L1	chr14:24505709-24520580	0.0874072	0.0874831	0.00125297	1
XLOC_020752	KLHDC10	chr7:129710348-129775560	3.86782	3.87127	0.00128852	0.999234
XLOC_013950	LINC00657	chr20:34633539-34638882	28.1547	28.1827	0.001431	0.999201
XLOC_022599	NUP188	chr9:131707808-131769375	31.7412	31.7744	0.00150839	0.999234
XLOC_023014	INIP	chr9:115448790-115480387	5.55965	5.56558	0.00153786	0.999234
XLOC_023092	FAM102A	chr9:130702860-130742812	15.5629	15.5801	0.00159122	0.999201
XLOC_010904	PINLYP	chr19:44080951-44086256	1.12474	1.12601	0.00162732	0.998558
XLOC_001091	IBA57	chr1:228353428-228369958	1.71855	1.72059	0.00171221	0.999234
XLOC_000780	BCAN	chr1:156611739-156629324	3.10332	3.1071	0.00175697	0.999234
XLOC_022494	FKTN	chr9:108320410-108403399	3.37322	3.37741	0.00179028	0.999187
XLOC_002821	BEND7	chr10:13480483-13544976	7.67654	7.68609	0.00179291	0.999234
XLOC_014207	LRRRC3	chr21:45875392-45878739	1.34842	1.35012	0.001821	0.99814
XLOC_021552	ASH2L	chr8:37963010-37997598	8.65414	8.66507	0.00182203	0.999114
XLOC_016456	SGMS2	chr4:108745720-108836204	2.89897	2.90281	0.00191441	0.999209
XLOC_016264	ZCCHC4	chr4:25314395-25372005	2.14367	2.14662	0.00197925	0.999234
XLOC_005215	KDM5A	chr12:389222-551806	2.22298	2.22607	0.00200212	0.999032
XLOC_005894	SETDB2	chr13:50018428-50069139	1.12292	1.12448	0.0020086	0.999215
XLOC_015697	IP6K2	chr3:48725435-48754711	57.6954	57.7768	0.0020356	0.998593
XLOC_009015	MRPL45	chr17:36452988-36479101	54.3278	54.4073	0.00211016	0.998593
XLOC_016827	HPSE	chr4:84213613-84256306	2.6005	2.60431	0.00211364	0.998983
XLOC_016248	FAM200B	chr4:15683351-15692070	3.49865	3.50383	0.00213475	0.999187
XLOC_003144	C10orf118	chr10:115881973-115934364	0.239864	0.240229	0.00219629	1
XLOC_021673	FAM92A1	chr8:94712772-94740671	33.1233	33.175	0.0022517	0.998593
XLOC_003601	SAC3D1	chr11:64808375-64826009	43.1791	43.2485	0.00231667	0.998593
XLOC_003620	EHBP1L1	chr11:65343508-65360116	9.84689	9.86275	0.0023216	0.998572
XLOC_003365	HTATIP2	chr11:20385230-20405329	36.407	36.466	0.00233468	0.998382
XLOC_002997	PPP3CB	chr10:75196562-75255782	8.48867	8.5029	0.00241565	0.998382
XLOC_003656	ANKRD13D	chr11:67056761-67069955	17.2963	17.3265	0.00250929	0.998572
XLOC_007548	CATSPER2P1	chr15:44028145-44038496	0.389782	0.390462	0.00251673	0.994582
XLOC_013176	MMADHC	chr2:150426146-150444330	74.5746	74.7073	0.00256567	0.998572
XLOC_012978	PRADC1	chr2:73455133-73460356	15.6043	15.6322	0.00257485	0.998382
XLOC_009676	SMARCE1	chr17:38783975-38804103	35.0276	35.091	0.00260908	0.998382
XLOC_012860	MEMO1	chr2:32092893-32235698	28.748	28.8001	0.00261345	0.998382

XLOC_002958	JMJD1C	chr10:64926987-65226322	5.12139	5.13075	0.00263332	0.998572
XLOC_002890	ZNF37BP	chr10:43008960-43048280	1.81005	1.81338	0.00264997	0.998382
XLOC_007170	HAUS2	chr15:42841010-42862190	9.97352	9.99224	0.00270533	0.998382
XLOC_006885	PNMA1	chr14:74178485-74181128	22.7438	22.7865	0.00270534	0.998272
XLOC_014860	CYP2D7P1	chr22:42536213-42540575	0.78008	0.781591	0.00279178	0.994953
XLOC_002785	LARP4B	chr10:852853-977645	8.97276	8.99031	0.0028195	0.998382
XLOC_005702	FAM109A	chr12:111798454-111806925	7.01834	7.03216	0.00283809	0.998382
XLOC_012127	SLC30A6	chr2:32390909-32449181	3.7084	3.71574	0.00285158	0.998382
XLOC_014417	ZDHHC8	chr22:20119363-20135530	10.3771	10.3977	0.00286144	0.998566
XLOC_011761	SNRPD2	chr19:46190711-46195443	582.694	583.88	0.00293249	0.998382
XLOC_013744	GNAS	chr20:57393972-57486250	453.776	454.712	0.00297336	0.998132
XLOC_001565	SSBP3	chr1:54692194-54872092	14.897	14.93	0.00319429	0.998272
XLOC_020860	NOS3	chr7:150688143-150721586	7.77924	7.79676	0.00324455	0.998382
XLOC_016742	SCFD2	chr4:53739150-54232242	1.34743	1.35049	0.00327372	0.999187
XLOC_001542	TTC39A	chr1:51752929-51810785	4.8634	4.87462	0.00332308	0.998572
XLOC_011047	ZNF473	chr19:50529211-50552031	3.07261	3.0798	0.00337276	0.998382
XLOC_022272	JAK2	chr9:4985244-5128183	0.292953	0.293661	0.00348507	1
XLOC_017671	ERCC8	chr5:60169658-60240905	3.162	3.16993	0.00361645	0.997773
XLOC_002177	NSL1	chr1:212899494-212965139	0.852465	0.854618	0.00364034	0.998272
XLOC_023380	PLP2	chrX:49028183-49031468	436.113	437.219	0.0036542	0.997552
XLOC_013462	MTERFD2	chr2:241938254-242041747	7.86615	7.88621	0.00367422	0.998382
XLOC_022216	MAFA	chr8:144510229-144512602	5.16385	5.17728	0.00374656	0.999106
XLOC_017715	SERINC5	chr5:79407049-79551898	1.67184	1.67619	0.00375234	0.998272
XLOC_003406	PRR5L	chr11:36317724-36486754	1.21755	1.22073	0.00376217	0.998272
XLOC_018277	FTSJD2	chr6:37400906-37449284	9.7996	9.82574	0.00384331	0.997552
XLOC_005197	EP400	chr12:132434464-132565011	2.73467	2.74208	0.00389959	0.997552
XLOC_005039	NEDD1	chr12:97301000-97347469	3.71776	3.72786	0.00391709	0.997913
XLOC_014695	THAP7	chr22:21354060-21368576	28.0638	28.1413	0.00397886	0.997773
XLOC_001031	HHAT	chr1:210501595-210849638	0.494748	0.496137	0.00404462	0.998382
XLOC_016835	LOC100506746	chr4:87846045-87856002	0.532038	0.533535	0.00405358	0.996765
XLOC_011161	RPS9	chr19:54704725-54711515	4658.29	4671.4	0.00405427	0.997552
XLOC_018245	ZBTB9	chr6:33422355-33425320	6.57324	6.59182	0.00407164	0.997773
XLOC_012427	PTPN18	chr2:131113579-131132982	14.0413	14.0814	0.00410976	0.997552
XLOC_008188	PSKH1	chr16:67927174-67965778	6.67526	6.69432	0.00411411	0.997552
XLOC_008485	XPO6	chr16:28109297-28223239	31.8039	31.8956	0.00415368	0.997552
XLOC_012305	KCNIP3	chr2:95963071-96051825	2.90417	2.9126	0.00418228	0.99783
XLOC_016715	PDS5A	chr4:39824482-39979576	7.30989	7.33135	0.00423031	0.997552
XLOC_005777	SCARB1	chr12:125262173-125348519	55.6348	55.7982	0.00423142	0.997479
XLOC_012308	FAHD2CP	chr2:96676298-96700727	5.28597	5.30171	0.00428926	0.998593
XLOC_004324	LOC254100	chr11:65336690-65337884	0.693205	0.695279	0.0043101	0.999391
XLOC_014419	LOC729444	chr22:20325589-20350461	0.0112298	0.0112641	0.00440737	1
XLOC_003110	LDB1	chr10:103867324-103880210	17.6313	17.6861	0.00447592	0.997552
XLOC_020898	MICALL2	chr7:1473994-1499109	2.7096	2.71811	0.00452094	0.998382
XLOC_004086	PSMA1	chr11:14526421-14665180	135.083	135.513	0.00458114	0.997552
XLOC_018113	BTN2A1	chr6:26458152-26482737	5.14766	5.16409	0.00459673	0.997551
XLOC_023349	UBA1	chrX:47050198-47074527	101.452	101.778	0.00463381	0.997232
XLOC_004248	CYBASC3	chr11:61066918-61136975	9.27571	9.30655	0.00478814	0.999234
XLOC_006323	PSMA6	chr14:35761573-35786682	147.334	147.832	0.00487554	0.996733
XLOC_018177	TUBB	chr6:30688156-30693195	443.492	445.012	0.0049347	0.997224

XLOC_015627	CLASP2	chr3:33537738-33759705	2.28549	2.2938	0.00523472	0.996949
XLOC_018040	DSP	chr6:7541869-7586946	2.36852	2.37715	0.00525108	0.996765
XLOC_016051	MECOM	chr3:168801286-169381563	1.94375	1.95092	0.00531037	0.997538
XLOC_009670	MED24	chr17:38175349-38210889	22.3805	22.4633	0.00532648	0.996421
XLOC_016641	NOP14	chr4:2937277-2965118	24.4332	24.5246	0.00538489	0.996765
XLOC_021738	TRMT12	chr8:125463047-125465266	5.21362	5.2335	0.00548958	0.99704
XLOC_023685	NSDHL	chrX:151999510-152037907	23.7052	23.7957	0.00549445	0.996035
XLOC_009640	ACACA	chr17:35441926-35766902	4.20485	4.2209	0.00549644	0.996035
XLOC_007139	LOC100131089	chr15:40331511-40359710	5.15512	5.17494	0.0055375	0.998382
XLOC_012572	HSPE1,HSPE1-M	chr2:198351307-198418423	354.438	355.837	0.00568193	0.999032
XLOC_006787	MIS18BP1	chr14:45672392-45722605	2.79387	2.80495	0.00571119	0.996446
XLOC_015423	IQCJ,IQCJ-SCHIP	chr3:158787040-159615155	6.2012	6.22587	0.0057287	0.997314
XLOC_007322	RCN2	chr15:77223961-77242601	25.576	25.6785	0.00577033	0.995664
XLOC_001124	RYR2	chr1:237205701-237997288	0.125244	0.125752	0.0058381	1
XLOC_016459	LEF1-AS1	chr4:108968700-109097586	0.381249	0.382803	0.00586603	0.99748
XLOC_015663	LZTFL1	chr3:45864809-45957216	3.06507	3.07767	0.0059185	0.996765
XLOC_021330	CNOT4	chr7:135046546-135194875	3.98882	4.00527	0.00593733	0.996948
XLOC_017116	FBXO4	chr5:41925355-41941672	7.47993	7.51134	0.00604581	0.99611
XLOC_005422	DDX23	chr12:49223538-49245957	20.5816	20.6723	0.00634448	0.995202
XLOC_020993	NOD1	chr7:30464142-30518393	1.6151	1.62224	0.0063576	0.997479
XLOC_020749	STRIP2	chr7:129074273-129128239	3.54966	3.56543	0.00639269	0.995268
XLOC_002777	PAOX	chr10:135192740-135205198	6.07671	6.10382	0.00642319	0.997224
XLOC_017292	PHAX	chr5:125936606-125962944	6.03376	6.06068	0.00642413	0.995529
XLOC_022064	ZFAND1	chr8:82613565-82633539	45.2062	45.4083	0.00643291	0.994886
XLOC_000394	PRPF38A	chr1:52870218-52883992	13.3707	13.4306	0.00644173	0.995202
XLOC_008341	SPSB3	chr16:1826712-1832581	40.1822	40.3623	0.00645332	0.995437
XLOC_017391	KIAA0141	chr5:141303384-141321612	12.0778	12.135	0.00681929	0.994878
XLOC_008200	SNTB2	chr16:69221049-69342955	1.44557	1.45245	0.00684219	0.995437
XLOC_004266	INTS5	chr11:62414319-62420774	12.551	12.6111	0.00689104	0.995019
XLOC_018302	CNPY3	chr6:42896859-42907008	46.87	47.095	0.00690687	0.994734
XLOC_013692	ZSWIM3	chr20:44486219-44507769	1.29435	1.30057	0.00691797	0.997371
XLOC_006003	TMCO3	chr13:114145307-114204544	8.98999	9.03351	0.0069676	0.994953
XLOC_024005	RIPPLY1	chrX:106143292-106174091	0.0654518	0.065771	0.00701946	1
XLOC_023740	ARSD	chrX:2822010-2847416	4.89268	4.91656	0.00702432	0.995019
XLOC_020578	RSBN1L	chr7:77313167-77409120	2.70031	2.71351	0.007039	0.996765
XLOC_002699	TCF7L2	chr10:114710008-114927436	4.13985	4.16013	0.00704933	0.995019
XLOC_001917	MRPL24	chr1:156707093-156710923	105.071	105.587	0.00708032	0.994734
XLOC_013140	SAP130	chr2:128698790-128784869	6.17715	6.20776	0.00713216	0.995019
XLOC_018651	RANBP9	chr6:13621729-13711796	9.82771	9.8767	0.00717295	0.994734
XLOC_016631	FAM53A	chr4:1641607-1685988	3.92975	3.94945	0.00721108	0.996035
XLOC_017783	CEP120	chr5:122680578-122759286	2.98101	2.99595	0.00721282	0.995202
XLOC_003739	TMEM126B	chr11:85339616-85347583	35.5768	35.756	0.00724492	0.994734
XLOC_012259	SEMA4F	chr2:74881354-74910981	4.06273	4.08327	0.00727748	0.994734
XLOC_020965	OSBPL3	chr7:24836163-25019760	1.69229	1.70088	0.00729786	0.995202
XLOC_006349	TMX1	chr14:51706885-51724372	18.2609	18.3536	0.00730418	0.994593
XLOC_011406	ZNF846	chr19:9868150-9879410	0.349058	0.350832	0.00731307	1
XLOC_008319	C16orf13	chr16:684428-686347	171.764	172.638	0.00731533	0.994734
XLOC_017175	SMN2	chr5:70220767-70248842	4.74227	4.76641	0.00732495	0.995521
XLOC_023810	DYNLT3	chrX:37698088-37706889	5.6521	5.68124	0.00741829	0.994978

XLOC_016148	NCBP2	chr3:196662272-196669464	32.3456	32.516	0.00757955	0.994734
XLOC_015988	LOC100289361	chr3:142719686-142720309	7.19179	7.22982	0.00760919	0.998272
XLOC_021579	HGSNAT	chr8:42995591-43057970	6.30475	6.33836	0.00767076	0.994734
XLOC_021694	VPS13B	chr8:100025493-100889814	1.57297	1.58139	0.00770124	0.994734
XLOC_003982	OSBPL5	chr11:3108345-3186582	4.47784	4.5019	0.0077311	0.995202
XLOC_005709	RPL6	chr12:112842993-112847443	2825.1	2840.34	0.00776107	0.994734
XLOC_018255	DEF6	chr6:35265594-35289548	20.0887	20.1991	0.00790509	0.994593
XLOC_021313	ZC3HC1	chr7:129658125-129691233	19.6571	19.7655	0.00793123	0.994593
XLOC_015649	CCDC13	chr3:42749873-42814745	0.0216223	0.0217432	0.00804676	1
XLOC_008393	LOC100507501	chr16:4295825-4303790	2.95764	2.97424	0.00807533	0.996186
XLOC_003936	IFITM3	chr11:319672-320914	325.793	327.662	0.00825198	0.994582
XLOC_018297	UBR2	chr6:42531759-42661243	2.5791	2.59396	0.00828612	0.994593
XLOC_011762	FBXO46	chr19:46213886-46234151	13.7414	13.8223	0.00847572	0.994593
XLOC_001099	GALNT2	chr1:230202955-230417875	9.19303	9.24726	0.00848538	0.994593
XLOC_018142	ZSCAN26	chr6:28234787-28245980	5.41931	5.45146	0.00853157	0.994734
XLOC_022736	HAUS6	chr9:19053134-19102940	4.71784	4.74597	0.0085762	0.994475
XLOC_000074	UBE4B	chr1:10093040-10241296	5.17746	5.20842	0.00860181	0.994279
XLOC_008436	MYH11	chr16:15737123-15950887	0.0744493	0.0748967	0.00864288	1
XLOC_002578	FAS	chr10:90694830-90775542	4.23635	4.26181	0.008646	0.994734
XLOC_020597	GTPBP10	chr7:89975978-90020769	3.73553	3.75812	0.00870053	0.994567
XLOC_002662	GBF1	chr10:104005254-104142656	5.68403	5.71872	0.00877914	0.994582
XLOC_012643	CTDSP1	chr2:219263060-219270664	36.4186	36.6412	0.00879206	0.994475
XLOC_019077	EPB41L2	chr6:131160487-131384462	13.6929	13.7776	0.00889657	0.994475
XLOC_006943	MOAP1	chr14:93648540-93651249	18.5265	18.6412	0.00890593	0.994204
XLOC_012709	EIF4E2	chr2:233415356-233433920	41.098	41.3555	0.0090115	0.994507
XLOC_014343	ZBTB21	chr21:43406939-43430496	2.74043	2.75769	0.00905918	0.994593
XLOC_009883	RNFT1	chr17:58029722-58042117	7.50431	7.55163	0.00906872	0.994593
XLOC_011435	RGL3	chr19:11504731-11530018	11.2745	11.3462	0.00914833	0.994593
XLOC_008839	CNTROB	chr17:7835441-7853237	13.1982	13.2834	0.00928703	0.994204
XLOC_018230	LOC100294145	chr6:32861952-32871535	2.20215	2.21649	0.00935952	0.994661
XLOC_023133	SURF6	chr9:136197551-136203047	59.4626	59.8512	0.00939911	0.994116
XLOC_008308	AFG3L1P	chr16:90036182-90067195	4.07538	4.10206	0.00941383	0.994734
XLOC_007423	NR2F2	chr15:96869156-96883492	3.16256	3.18328	0.00941889	0.994593
XLOC_010390	RNF152	chr18:59482303-59560304	0.934036	0.940175	0.00945146	0.996948
XLOC_024109	MAP7D3	chrX:135295378-135338641	5.54827	5.5857	0.00970016	0.994068
XLOC_003178	FAM53B	chr10:126307862-126432930	6.35596	6.39886	0.00970451	0.994204
XLOC_022029	ARFGEF1	chr8:68109883-68255912	4.11742	4.14541	0.00977326	0.994279
XLOC_016925	NUDT6	chr4:123747862-123844159	5.08257	5.11717	0.00978758	0.99497
XLOC_010120	NAPG	chr18:10525872-10552766	5.37319	5.40984	0.00980529	0.994204
XLOC_005948	NDFIP2	chr13:80051498-80130212	6.26411	6.30704	0.00985244	0.994204
XLOC_007508	C15orf56	chr15:40453209-40569688	1.92466	1.93786	0.00986127	0.998593
XLOC_012918	SMEK2	chr2:55775513-55844796	6.67816	6.72428	0.00992929	0.994068
XLOC_017127	ITGA2	chr5:52285155-52390609	1.10275	1.11037	0.00994152	0.994432
XLOC_010439	ARID3A	chr19:926036-972803	5.57111	5.60974	0.00996859	0.994582
XLOC_008168	C16orf70	chr16:67143914-67184902	5.31581	5.35284	0.010014	0.994734
XLOC_001391	EYA3	chr1:28296854-28415148	4.16846	4.19765	0.0100695	0.994204
XLOC_005670	CKAP4	chr12:106631658-106641713	21.7815	21.9346	0.0101049	0.994068
XLOC_018879	C6orf226	chr6:42858002-42858554	11.825	11.9084	0.0101402	0.995019
XLOC_002624	UBTD1	chr10:99258767-99330960	31.8524	32.0783	0.0101953	0.994102

XLOC_015623	DYNC1L1	chr3:32567462-32612366	19.0824	19.2188	0.0102767	0.994116
XLOC_007865	GFER	chr16:2034149-2037750	29.5673	29.7791	0.0102949	0.994068
XLOC_006027	ZDHC20	chr13:21872263-22033508	3.91413	3.94216	0.0102976	0.994068
XLOC_009421	SLC25A11	chr17:4840425-4843462	69.1289	69.6246	0.0103088	0.994068
XLOC_014148	IFNGR2	chr21:34775201-34852316	42.1053	42.4086	0.0103541	0.994279
XLOC_016852	EIF4E	chr4:99799606-99851786	17.5113	17.6378	0.0103824	0.994116
XLOC_003251	MRPL23	chr11:1968501-1977839	109.77	110.566	0.0104268	0.994068
XLOC_010176	C18orf21	chr18:33552587-33559250	20.1156	20.2621	0.0104694	0.994068
XLOC_022217	ZC3H3	chr8:144519824-144623620	18.7628	18.8995	0.0104706	0.994068
XLOC_011233	ZNF551	chr19:58193336-58201169	0.892092	0.89867	0.0105981	0.994593
XLOC_000470	FAM73A	chr1:78245308-78345225	1.05967	1.06749	0.0106047	0.994279
XLOC_017183	TNPO1	chr5:72112417-72210215	9.37801	9.44738	0.0106326	0.99382
XLOC_009804	MRPL10	chr17:45900637-45908907	87.4337	88.0857	0.0107191	0.993157
XLOC_015606	SGOL1	chr3:20202084-20227919	2.7741	2.79494	0.0107971	0.994593
XLOC_021192	FAM200A	chr7:99143922-99149757	3.3505	3.37576	0.0108384	0.994279
XLOC_002411	LOC399744	chr10:38717073-38741081	2.10387	2.11974	0.0108461	0.994432
XLOC_015682	MAP4	chr3:47892179-48130769	22.0536	22.2201	0.010849	0.993578
XLOC_002434	FAM21C	chr10:46222647-46288412	5.6078	5.65029	0.0108905	0.994068
XLOC_013871	OVOL2	chr20:18004795-18038521	3.42629	3.45234	0.0109263	0.995078
XLOC_022097	KIAA1429	chr8:95500004-95565746	5.96683	6.01295	0.011107	0.994068
XLOC_018170	HLA-E	chr6:30457182-30461982	151.997	153.172	0.0111157	0.99309
XLOC_012538	DFNB59	chr2:179059207-179672150	1.14304	1.15189	0.0111216	0.997552
XLOC_020520	CRCP	chr7:65579804-65619553	11.2954	11.3831	0.0111615	0.994058
XLOC_000896	CACYBP	chr1:174968570-174981163	45.5282	45.8889	0.0113829	0.992823
XLOC_004294	ATL3	chr11:63396436-63439083	9.44493	9.52116	0.0115968	0.993173
XLOC_021883	DLC1	chr8:12940871-13372429	22.5025	22.6846	0.0116235	0.993208
XLOC_015688	SHISA5	chr3:48509196-48542259	96.8762	97.6628	0.0116674	0.99284
XLOC_020846	LRRC61	chr7:149944300-150035245	41.8113	42.1511	0.0116762	0.994593
XLOC_008320	JMJD8	chr16:730114-734439	54.6443	55.0889	0.0116913	0.994221
XLOC_000916	KIAA1614	chr1:180882312-180915239	0.0322423	0.032506	0.0117539	1
XLOC_019031	MICAL1	chr6:109765265-109777190	17.5555	17.6994	0.0117735	0.993578
XLOC_005685	ALKBH2	chr12:109525992-109531293	32.5099	32.7769	0.0117993	0.993578
XLOC_015692	UQCRC1	chr3:48636431-48647098	222.975	224.809	0.0118183	0.992882
XLOC_006482	TTC8	chr14:89290977-89344335	5.47356	5.51867	0.0118407	0.994017
XLOC_020426	DKFZP586I1420	chr7:30409665-30412410	0.996373	1.00459	0.011844	0.994734
XLOC_016664	ACOX3	chr4:8368008-8442452	5.91741	5.96633	0.0118772	0.994058
XLOC_006783	FBXO33	chr14:39865576-39901704	2.62119	2.64291	0.0119076	0.994116
XLOC_013249	LOC375295	chr2:177494308-177502302	20.1003	20.267	0.011916	0.993173
XLOC_004234	OSBP	chr11:59341870-59383617	14.4343	14.5543	0.0119487	0.992312
XLOC_003742	EED	chr11:85955805-85989785	12.1953	12.297	0.0119819	0.993923
XLOC_009222	ACE	chr17:61554421-61575741	4.03307	4.06672	0.0119883	0.994204
XLOC_001677	DPH5	chr1:101455179-101491362	19.5449	19.7085	0.0120269	0.992304
XLOC_011487	NDUFB7	chr19:14676889-14682889	247.882	249.961	0.0120526	0.993578
XLOC_011353	GTF2F1	chr19:6379579-6393291	56.7345	57.2168	0.0122127	0.993157
XLOC_022796	KIAA1161	chr9:34368906-34376894	1.20796	1.21824	0.0122172	0.994734
XLOC_023887	FGD1	chrX:54471886-54522599	10.2487	10.3364	0.0122902	0.993157
XLOC_021168	BET1	chr7:93620999-93633690	9.77428	9.85813	0.0123233	0.992823
XLOC_011851	VRK3	chr19:50479723-50528805	11.6367	11.737	0.0123836	0.993157
XLOC_015661	LIMD1-AS1	chr3:45636322-45730374	5.51718	5.56483	0.012406	0.995437

XLOC_005801	MPHOSPH8	chr13:20207787-20247599	9.42092	9.50239	0.0124224	0.992312
XLOC_011791	BBC3	chr19:47724078-47736023	46.7035	47.1074	0.0124254	0.992298
XLOC_020782	C7orf55,C7orf55-L	chr7:139025104-139112272	43.5978	43.9786	0.012546	0.994068
XLOC_005770	CDK2AP1	chr12:123745516-123756863	63.9655	64.5254	0.0125733	0.992304
XLOC_001064	MIA3	chr1:222791443-222841351	3.99319	4.02823	0.0126067	0.992304
XLOC_022616	LAMC3	chr9:133884503-133968446	0.0875163	0.0882889	0.0126811	1
XLOC_002941	CSTF2T	chr10:52750910-54073888	4.87955	4.92305	0.0128056	0.992304
XLOC_003062	ALDH18A1	chr10:97365685-97416567	42.0435	42.4185	0.0128102	0.991515
XLOC_007160	RTF1	chr15:41709301-41775761	13.1677	13.2852	0.012819	0.992304
XLOC_011641	DPF1	chr19:38701648-38720317	2.53771	2.56037	0.0128247	0.994582
XLOC_017347	MATR3	chr5:138609440-138667366	41.2913	41.6612	0.0128678	0.992304
XLOC_000383	CMPK1	chr1:47799468-47844511	26.9932	27.2353	0.0128796	0.992304
XLOC_017128	LOC257396	chr5:52405686-52410952	1.57447	1.58863	0.0129112	0.994582
XLOC_004871	SP1	chr12:53773978-53810226	7.51857	7.58621	0.0129218	0.992298
XLOC_000334	CDC20	chr1:43824625-43828873	128.812	129.982	0.0130479	0.992304
XLOC_007897	PAQR4	chr16:3019341-3030540	25.7983	26.0329	0.0130583	0.994734
XLOC_022440	C9orf89	chr9:95858449-95875565	65.7878	66.3904	0.0131539	0.992304
XLOC_021089	GTF2IRD1P1	chr7:66205642-66309813	9.68222	9.77107	0.0131785	0.994068
XLOC_004347	CCDC87	chr11:66357639-66360554	0.106846	0.107827	0.0131873	1
XLOC_000248	KHDRBS1	chr1:32479294-32526460	87.1206	87.9212	0.0131975	0.992298
XLOC_010538	STXBP2	chr19:7701986-7712760	58.6757	59.2159	0.0132223	0.99209
XLOC_013650	RALGAPB	chr20:37101485-37207504	3.21363	3.24328	0.0132491	0.992304
XLOC_016085	PARL	chr3:183547172-183602693	46.8315	47.2647	0.0132854	0.991333
XLOC_015714	GPX1	chr3:49394608-49395791	708.364	714.924	0.0132987	0.992304
XLOC_009228	DDX42	chr17:61851566-61896677	17.268	17.4282	0.0133277	0.991515
XLOC_005908	ALG11,UTP14C	chr13:52586522-52607736	1.90897	1.92699	0.0135545	0.994068
XLOC_010468	SPPL2B	chr19:2328628-2355100	6.63958	6.70231	0.0135657	0.993173
XLOC_016384	THAP6	chr4:76439653-76455236	1.81411	1.83134	0.0136386	0.993578
XLOC_017016	CLDN22	chr4:184020462-184241929	1.31349	1.32596	0.0136418	0.994734
XLOC_015491	SENP2	chr3:185304030-185348885	6.74879	6.81304	0.0136697	0.991776
XLOC_017287	SNX2	chr5:122110749-122165802	25.5145	25.7583	0.01372	0.992194
XLOC_011958	TNNI3	chr19:55663135-55669100	9.22865	9.31689	0.013728	0.994068
XLOC_010129	SEH1L	chr18:12947982-12987536	23.5865	23.8132	0.0137999	0.991446
XLOC_004163	CKAP5	chr11:46765083-46867859	14.147	14.2836	0.0138603	0.991175
XLOC_007417	LOC100507217	chr15:93426072-93441977	35.4235	35.7657	0.0138702	0.991446
XLOC_017220	ZCCHC9	chr5:80256507-81047072	21.0408	21.245	0.0139368	0.994068
XLOC_000140	ARHGEF10L	chr1:17866329-18024370	4.9642	5.0124	0.0139392	0.992304
XLOC_006125	KPNA3	chr13:50273442-50367057	6.95438	7.02219	0.0140003	0.991446
XLOC_015749	DUSP7	chr3:52082936-52090461	28.5076	28.7874	0.0140938	0.991167
XLOC_005072	C12orf75	chr12:105724413-105765296	23.3859	23.6164	0.0141531	0.992298
XLOC_021239	NAPEPLD	chr7:102715327-102789569	2.13747	2.15857	0.0141756	0.996421
XLOC_017917	GEMIN5	chr5:154266975-154317776	5.57477	5.62986	0.0141865	0.991637
XLOC_006327	PAX9	chr14:37126772-37147011	1.60034	1.61624	0.0142673	0.994068
XLOC_017319	LEAP2	chr5:132209357-132210582	0.505405	0.510431	0.014274	0.992304
XLOC_013132	ERCC3	chr2:128014865-128051752	21.9566	22.1753	0.0143031	0.991175
XLOC_010222	PMAIP1	chr18:57567191-57571538	10.5991	10.7051	0.0143532	0.991637
XLOC_011691	EXOSC5	chr19:41892275-41903256	138.306	139.694	0.0144063	0.991175
XLOC_000928	SMG7	chr1:183441505-183523328	8.17526	8.25754	0.0144489	0.991158
XLOC_005691	GLTP	chr12:110288747-110318293	38.9266	39.3185	0.0144509	0.991175

XLOC_021408	PRKAG2	chr7:151253200-151576308	19.8228	20.0237	0.0145471	0.992304
XLOC_014560	TOMM22	chr22:39077953-39080766	89.2859	90.191	0.014551	0.99121
XLOC_014086	UCKL1	chr20:62571181-62601223	30.6006	30.911	0.0145611	0.991175
XLOC_008817	TMEM102	chr17:7338761-7340998	26.3302	26.5976	0.0145778	0.991515
XLOC_016186	MSANTD1	chr4:3250766-3258342	0.143061	0.144515	0.0145854	1
XLOC_006297	RNF31	chr14:24616658-24629870	10.5009	10.6079	0.0146279	0.991324
XLOC_002520	CHCHD1	chr10:75541807-75543406	70.1858	70.908	0.0147697	0.991062
XLOC_014864	RRP7B	chr22:42949924-42978017	4.48055	4.52687	0.0148391	0.992823
XLOC_015575	VGLL4	chr3:11314009-11762220	9.01425	9.10771	0.0148807	0.994116
XLOC_003308	ZNF215	chr11:6947653-6979278	1.7142	1.73198	0.0148894	0.993157
XLOC_002799	ASB13	chr10:5680819-5708558	17.7957	17.9806	0.0149103	0.991167
XLOC_023332	ATP6AP2	chrX:40440215-40465888	34.4418	34.7998	0.0149178	0.991167
XLOC_020671	SH2B2	chr7:101928404-101962178	15.6995	15.8629	0.0149395	0.992304
XLOC_001139	DESI2	chr1:244816351-244872334	14.7744	14.9294	0.015064	0.990042
XLOC_013231	DLX2	chr2:172964165-172967478	1.75868	1.77717	0.015084	0.994068
XLOC_019144	ZBTB2	chr6:151685249-151712677	4.81018	4.86105	0.0151753	0.991446
XLOC_021584	MCM4	chr8:48872762-48890719	35.3524	35.7266	0.0151901	0.989857
XLOC_012287	RMND5A	chr2:86730552-87005164	4.7219	4.77199	0.0152233	0.994582
XLOC_015378	PLS1	chr3:142315228-142432505	2.95248	2.98382	0.0152307	0.99209
XLOC_004032	APBB1	chr11:6416354-6440644	15.8499	16.0182	0.0152339	0.991446
XLOC_010189	HAUS1	chr18:43684297-43708299	37.0407	37.4388	0.0154259	0.990421
XLOC_000562	CELSR2	chr1:109792640-109818378	2.2228	2.24674	0.0154539	0.99142
XLOC_016304	SLAIN2	chr4:48343612-48428215	3.22333	3.25807	0.0154641	0.99121
XLOC_021521	CDCA2	chr8:25316512-25365425	1.93482	1.95567	0.0154653	0.992882
XLOC_010919	ZNF227	chr19:44716690-44741421	3.65593	3.69538	0.0154858	0.992298
XLOC_015067	EXOSC7	chr3:45017740-45054158	70.6514	71.4149	0.0155055	0.991026
XLOC_012290	LINC00152	chr2:87754973-87821030	494.134	499.487	0.0155449	0.989954
XLOC_021020	FAM183B	chr7:38724945-38726689	0.443657	0.448475	0.015585	0.994313
XLOC_022602	PPP2R4	chr9:131873227-131911225	163.898	165.688	0.015669	0.990667
XLOC_008532	ZNF668	chr16:31072163-31085641	8.95223	9.05039	0.0157319	0.992298
XLOC_004743	LOC100506314	chr12:13127798-13153243	0.526567	0.532363	0.0157931	0.877848
XLOC_023444	YIPF6	chrX:67718623-67757127	4.89287	4.94689	0.0158406	0.991167
XLOC_004983	FRS2	chr12:69864128-69973562	1.9325	1.95385	0.0158455	0.992194
XLOC_016629	SPON2	chr4:1160720-1202750	0.428136	0.432875	0.0158815	0.995202
XLOC_013943	UQCC	chr20:33890368-33999945	20.1575	20.3813	0.0159284	0.98968
XLOC_015535	PIGX	chr3:196439244-196462876	4.47734	4.52741	0.0160435	0.99128
XLOC_014499	UQCR10	chr22:30163357-30166402	82.4037	83.3276	0.0160855	0.990104
XLOC_009280	MRPS7	chr17:73232693-73267311	38.1014	38.5304	0.0161533	0.994058
XLOC_015644	ULK4	chr3:41288089-42003660	0.322702	0.326349	0.0162146	1
XLOC_017136	SKIV2L2	chr5:54603575-54830873	12.3331	12.4734	0.01632	0.990711
XLOC_012403	STEAP3	chr2:119981383-120023227	14.8364	15.0052	0.0163222	0.990421
XLOC_017966	GPRIN1	chr5:176022802-176037131	5.23197	5.29177	0.0163941	0.991324
XLOC_004125	KIF18A	chr11:28042162-28129746	1.41185	1.42801	0.0164221	0.992312
XLOC_008043	INO80E	chr16:30007530-30022401	59.6575	60.3425	0.0164719	0.991515
XLOC_021808	ZNF7	chr8:146052902-146068606	18.0725	18.2802	0.016488	0.98938
XLOC_009142	CDK5RAP3	chr17:46048428-46059147	30.962	31.3179	0.0164931	0.989451
XLOC_022518	COL27A1	chr9:116918230-117072975	4.39814	4.44872	0.0164975	0.991167
XLOC_012723	SH3BP4	chr2:235860627-235964358	3.60215	3.64365	0.0165258	0.991167
XLOC_003346	C11orf58	chr11:16760147-16779901	25.8597	26.1592	0.0166167	0.98938

XLOC_010123	IMPA2	chr18:11981426-12030885	27.0557	27.3695	0.0166395	0.990104
XLOC_016328	PAICS	chr4:57301914-57327534	97.1363	98.2659	0.0166808	0.988761
XLOC_015763	NEK4	chr3:52744795-52804965	3.1377	3.17419	0.016681	0.991167
XLOC_000321	CCDC30	chr1:43000559-43120335	0.0455955	0.046126	0.0166877	1
XLOC_000410	MROH7,TTC4	chr1:55107426-55208328	14.6608	14.8315	0.0167007	0.989274
XLOC_007262	SMAD6	chr15:66994673-67074337	0.804254	0.813642	0.0167429	0.994961
XLOC_022169	KIAA0196	chr8:126036502-126104061	11.3824	11.5169	0.0169403	0.988974
XLOC_003088	DNMBP	chr10:101635333-101769676	1.89095	1.91347	0.0170746	0.990781
XLOC_012279	USP39	chr2:85829964-85876407	29.487	29.8384	0.0170951	0.991341
XLOC_003436	ZNF408	chr11:46722316-46727466	10.2898	10.4125	0.0171031	0.990368
XLOC_012261	POLE4	chr2:75185774-75196859	83.1189	84.1134	0.0171604	0.988788
XLOC_020682	PMPCB	chr7:102937872-102985320	27.1758	27.5011	0.0171631	0.991175
XLOC_022969	C9orf156	chr9:100666771-100684852	5.77555	5.84489	0.0172162	0.991637
XLOC_023200	NSMF	chr9:140342022-140353786	101.032	102.248	0.0172659	0.988052
XLOC_001213	TMEM52	chr1:1849028-1850740	39.8987	40.3814	0.0173475	0.98938
XLOC_008671	LOC283922	chr16:74366303-74402153	0.438234	0.443571	0.017463	0.995723
XLOC_008888	RAI1	chr17:17584786-17740325	3.97702	4.02559	0.0175129	0.994593
XLOC_000880	TOP1P1	chr1:171283485-171311223	0.0932416	0.0943817	0.0175331	1
XLOC_004441	CCDC90B	chr11:82972501-82997377	22.089	22.3606	0.0176316	0.98938
XLOC_012404	DBI	chr2:120124503-120130122	167.01	169.074	0.0177244	0.987173
XLOC_014968	CAPN7	chr3:15247732-15294423	2.9659	3.00283	0.0178549	0.989716
XLOC_001218	PEX10	chr1:2323213-2344010	20.1827	20.4344	0.0178757	0.994734
XLOC_006469	AHSA1	chr14:77924372-77935815	150.94	152.829	0.0179407	0.988327
XLOC_013690	UBE2C	chr20:44441254-44445596	275.879	279.348	0.0180255	0.987377
XLOC_005124	RNFT2	chr12:117176095-117291436	1.85345	1.87676	0.0180287	0.992304
XLOC_005592	KRR1	chr12:75874512-75905418	16.685	16.8954	0.0180763	0.992304
XLOC_021160	CDK6	chr7:92234234-92465941	2.23094	2.25909	0.0180884	0.987519
XLOC_008332	TSR3	chr16:1383605-1401873	104.235	105.551	0.0181013	0.987786
XLOC_012426	IMP4	chr2:131100488-131104197	127.411	129.02	0.0181067	0.987173
XLOC_019155	TMEM242	chr6:157710053-157745253	3.56336	3.60868	0.0182321	0.989371
XLOC_002800	GDI2	chr10:5807185-5855512	169.972	172.155	0.0184074	0.987173
XLOC_023763	FANCB	chrX:14861528-14891184	0.370844	0.375613	0.0184352	0.994068
XLOC_018606	FAM120B	chr6:170615843-170714237	3.33444	3.37738	0.0184568	0.991167
XLOC_001232	C1orf174	chr1:3805696-3816857	14.8618	15.0535	0.0184851	0.987786
XLOC_005925	TDRD3	chr13:60970590-61148013	4.58402	4.64355	0.0186125	0.98938
XLOC_021994	LYPLA1	chr8:54958937-55014577	38.5175	39.0224	0.0187899	0.986782
XLOC_000960	CAMSAP2	chr1:200708685-200829831	2.2149	2.24398	0.0188163	0.988734
XLOC_010831	KCNK6	chr19:38810483-38819649	11.5126	11.6642	0.0188724	0.98735
XLOC_001105	SPRTN	chr1:231473681-231490769	1.66983	1.69188	0.0189228	0.991429
XLOC_013116	SLC35F5	chr2:114471932-114514400	4.51469	4.57434	0.0189358	0.989716
XLOC_011322	MAP2K2	chr19:4090319-4124126	166.612	168.816	0.0189558	0.985975
XLOC_021854	MFHAS1	chr8:8641998-8751131	1.7795	1.80305	0.0189639	0.991515
XLOC_018267	KCTD20	chr6:36358328-36458315	5.65863	5.73407	0.0191067	0.987696
XLOC_002286	ZNF670,ZNF695	chr1:247108848-247242115	4.69745	4.76028	0.0191698	0.993182
XLOC_002900	C10orf25	chr10:45493145-45500777	0.473958	0.480303	0.019187	0.996948
XLOC_007988	EEF2K	chr16:22217591-22300066	5.00235	5.06934	0.019192	0.986681
XLOC_016471	ALPK1	chr4:113218498-113363764	1.50249	1.52263	0.0192145	0.990667
XLOC_018934	GCLC	chr6:53362139-53409927	6.10653	6.18859	0.0192588	0.986782
XLOC_008067	STX4	chr16:31044415-31051488	48.8934	49.5543	0.0193722	0.985692

XLOC_016150	MFI2	chr3:196728611-196756687	33.5427	33.9965	0.0193863	0.987173
XLOC_020399	FAM221A	chr7:23719748-23742269	5.37445	5.44732	0.0194286	0.991446
XLOC_009414	MYBBP1A	chr17:4402128-4458681	27.4015	27.7749	0.0195249	0.986862
XLOC_015664	FYCO1	chr3:45959390-46037316	2.73415	2.77147	0.0195558	0.986916
XLOC_000860	DCAF6	chr1:167885912-168045083	5.1669	5.2377	0.0196355	0.994068
XLOC_017148	KIF2A	chr5:61601988-61683011	4.99442	5.06298	0.019668	0.987173
XLOC_002386	GPR158	chr10:25447000-25891157	0.165847	0.168136	0.0197714	1
XLOC_007319	FBXO22	chr15:76196199-76227608	7.4981	7.60185	0.0198253	0.991515
XLOC_006738	RABGGTA	chr14:24734743-24740833	14.9724	15.1805	0.0199133	0.987159
XLOC_010451	EFNA2	chr19:1286152-1301429	4.77106	4.83806	0.0201182	0.991167
XLOC_016842	PPM1K	chr4:89178760-89205983	2.44141	2.4757	0.020122	0.986782
XLOC_017300	ISOC1	chr5:128430441-128449719	7.67211	7.7804	0.02022	0.988549
XLOC_016183	NOP14-AS1	chr4:2937277-2965118	3.17343	3.21837	0.0202887	0.994734
XLOC_013156	MZT2A	chr2:132202795-132360468	364.78	369.949	0.0203011	0.98938
XLOC_016524	MMAA	chr4:146540539-146581187	0.395885	0.401568	0.0205626	0.992298
XLOC_021490	ATP6V1B2	chr8:20054703-20079207	32.4756	32.9464	0.0207644	0.984084
XLOC_003515	STX3	chr11:59522531-59573355	13.2745	13.4674	0.0208212	0.98551
XLOC_015457	MFN1	chr3:179065479-179111008	5.67601	5.75861	0.0208446	0.986181
XLOC_004915	CDK2	chr12:56360555-56366568	29.6365	30.068	0.020854	0.984084
XLOC_009557	USP22	chr17:20902905-20946352	37.1264	37.6671	0.0208582	0.984547
XLOC_003824	TTC12	chr11:113185250-113237114	7.44291	7.5516	0.0209143	0.986998
XLOC_008914	SPECC1	chr17:19912648-20218072	7.04245	7.14577	0.0210111	0.984084
XLOC_013269	NCKAP1	chr2:183789604-183903229	25.8587	26.2381	0.0210138	0.983736
XLOC_009101	C17orf53	chr17:42219273-42239844	4.50938	4.57571	0.0210691	0.987848
XLOC_010727	ZNF738	chr19:21541734-21571384	0.772829	0.784212	0.0210946	0.987159
XLOC_010626	C19orf53	chr19:13885256-13889586	138.349	140.388	0.0211135	0.98338
XLOC_008389	TRAP1	chr16:3702939-3767598	182.893	185.612	0.0212869	0.984445
XLOC_023619	PHF6	chrX:133507341-133562822	3.81598	3.87295	0.0213793	0.985712
XLOC_012886	COX7A2L	chr2:42577644-42588356	116.137	117.873	0.0214004	0.983529
XLOC_015325	COPG1	chr3:128968452-128996616	36.7019	37.2505	0.0214044	0.984084
XLOC_004874	PCBP2	chr12:53845885-53893444	198.567	201.537	0.0214176	0.984941
XLOC_005045	SNORA53	chr12:98987402-98995778	2.49864	2.53606	0.021445	0.994204
XLOC_010416	MBP	chr18:74690788-74844774	3.24663	3.29533	0.021482	0.987173
XLOC_001037	PPP2R5A	chr1:212458878-212535205	10.6246	10.784	0.0214926	0.983738
XLOC_023519	ARMCX4	chrX:100673250-100790975	0.348304	0.35355	0.0215691	1
XLOC_008438	ABCC6	chr16:16243421-16317328	1.27565	1.29486	0.0215707	0.994507
XLOC_020519	ASL	chr7:65540775-65558329	41.1833	41.8053	0.0216268	0.983334
XLOC_017172	GTF2H2B	chr5:69711196-69746189	1.97054	2.00034	0.0216534	0.987159
XLOC_006916	SNW1	chr14:78183943-78236085	32.1278	32.6137	0.0216551	0.983243
XLOC_009781	GJC1	chr17:42875815-42908179	6.78726	6.88997	0.0216689	0.982913
XLOC_006654	INF2	chr14:105155942-105185947	36.5245	37.0778	0.0216907	0.987173
XLOC_020660	TRIP6	chr7:100464949-100471076	290.966	295.39	0.0217693	0.983243
XLOC_005750	ANAPC5	chr12:121746047-121792012	47.5056	48.2282	0.0217803	0.983529
XLOC_003674	IGHMBP2	chr11:68671318-68708069	6.15651	6.2504	0.0218363	0.985956
XLOC_021664	RIPK2	chr8:90769974-90803292	40.8017	41.4245	0.0218551	0.982866
XLOC_013487	STK35	chr20:2082527-2129198	6.71278	6.81558	0.0219245	0.984237
XLOC_020631	ZKSCAN5	chr7:99102272-99131445	4.52843	4.59779	0.0219272	0.985492
XLOC_012172	TTC7A	chr2:47129008-47303275	3.06962	3.11671	0.0219636	0.995019
XLOC_015966	STAG1	chr3:136055998-136471245	3.09995	3.14783	0.0221113	0.985692

XLOC_009413	UBE2G1	chr17:4172511-4269969	10.9093	11.0779	0.0221286	0.983334
XLOC_012464	EPC2	chr2:149402559-149545136	2.65514	2.69628	0.0221783	0.986978
XLOC_015096	ATRIP,TREX1	chr3:48488113-48509044	5.52311	5.60889	0.0222359	0.986243
XLOC_021661	WWP1	chr8:87354993-87480178	6.73256	6.83734	0.0222799	0.983443
XLOC_004656	TEAD4	chr12:3068477-3149842	43.2986	43.9812	0.0225666	0.983243
XLOC_016737	OCIAD2	chr4:48887404-48908815	258.888	262.97	0.0225685	0.982133
XLOC_003667	ALDH3B1	chr11:67776047-67796743	0.0902604	0.0916841	0.0225782	1
XLOC_013714	SNAI1	chr20:48599512-48605420	10.2093	10.3704	0.022596	0.985712
XLOC_016928	PGRMC2	chr4:129190391-129209984	16.2657	16.5226	0.0226046	0.982229
XLOC_008656	VAC14	chr16:70721341-70835061	29.7948	30.2662	0.0226498	0.98225
XLOC_003900	EI24	chr11:125439297-125454575	47.1113	47.8611	0.0227818	0.98206
XLOC_022132	SLC25A32	chr8:104410865-104455680	16.4755	16.7391	0.0229065	0.992882
XLOC_018773	LSM2	chr6:31765168-31774761	109.495	111.248	0.022915	0.982229
XLOC_013009	SUCLG1	chr2:84650646-84686586	45.9723	46.7096	0.0229534	0.98206
XLOC_016088	CAMK2N2	chr3:183967444-184010819	55.6669	56.5599	0.0229598	0.990192
XLOC_013260	SESTD1	chr2:179966418-180129350	0.388085	0.394312	0.0229656	0.98938
XLOC_023099	GOLGA2	chr9:131018107-131038268	22.3921	22.7521	0.0230063	0.982377
XLOC_017954	LOC100268168	chr5:172381785-172386371	3.84083	3.90262	0.0230236	0.990711
XLOC_023393	USP27X	chrX:49644469-49647168	1.05091	1.06782	0.0230296	0.991175
XLOC_018580	WTAP	chr6:160148029-160177352	35.0564	35.6211	0.0230547	0.982742
XLOC_005865	WBP4	chr13:41635696-41658139	4.06471	4.1303	0.0230927	0.985175
XLOC_005489	MAP3K12	chr12:53845885-53893444	7.32785	7.44649	0.0231715	0.952184
XLOC_021221	EPHB4	chr7:100400186-100425143	32.8682	33.4028	0.0232779	0.982229
XLOC_008263	KLHL36	chr16:84682130-84695916	10.837	11.0139	0.0233632	0.98495
XLOC_006902	C14orf1	chr14:76117232-76127538	30.0756	30.5667	0.0233675	0.982714
XLOC_003531	CCDC86	chr11:60609428-60623444	44.644	45.3741	0.0234034	0.982623
XLOC_000203	SH3BGRL3	chr1:26606212-26608013	283.033	287.671	0.02345	0.98206
XLOC_003208	ECHS1	chr10:135175986-135186908	147.98	150.406	0.0234615	0.981543
XLOC_021703	ATP6V1C1	chr8:104033247-104085285	14.8042	15.0478	0.0235443	0.981543
XLOC_017346	CTNNA1	chr5:138089106-138270723	55.6393	56.5549	0.0235468	0.981543
XLOC_001595	SERBP1	chr1:67873492-67896123	40.5127	41.1821	0.0236425	0.981975
XLOC_010463	IZUMO4	chr19:2096867-2099583	0.30339	0.308407	0.0236617	1
XLOC_020905	SNX8	chr7:2291404-2354099	16.2301	16.4985	0.0236665	0.981543
XLOC_002502	PALD1	chr10:72238563-72328206	10.0485	10.2152	0.0237274	0.981735
XLOC_010226	ZCCHC2	chr18:60190657-60245818	1.28382	1.30514	0.0237596	0.988327
XLOC_012719	DGKD	chr2:234263152-234380743	4.23809	4.30854	0.0237847	0.98338
XLOC_001819	MRPL9	chr1:151732122-151743806	70.3693	71.5391	0.0237863	0.981543
XLOC_014483	SRRD	chr22:26879849-26908437	15.9254	16.1903	0.0238	0.99114
XLOC_009512	PMP22	chr17:15133095-15168644	32.7556	33.3008	0.0238118	0.982229
XLOC_021952	TTI2	chr8:33342684-33370703	5.78036	5.87684	0.0238811	0.992304
XLOC_001871	C1orf43	chr1:154179182-154243329	152.596	155.144	0.0238916	0.985184
XLOC_022259	KANK1	chr9:470293-746106	2.30054	2.33913	0.0239982	0.984602
XLOC_005170	TMED2	chr12:124069075-124082688	92.9666	94.5287	0.0240384	0.981441
XLOC_013039	MRPS5	chr2:95752951-95787754	36.8249	37.4437	0.0240415	0.981543
XLOC_017113	CARD6	chr5:40841409-40855456	1.15723	1.17668	0.024051	0.986998
XLOC_009386	SMG6	chr17:1963132-2207069	11.152	11.34	0.0241182	0.981975
XLOC_006712	C14orf93	chr14:23456109-23479360	6.18609	6.29085	0.0242266	0.984602
XLOC_012731	RAMP1	chr2:238768186-238820755	44.9234	45.6845	0.0242359	0.982866
XLOC_016879	INTS12	chr4:106603784-106629881	12.8309	13.0489	0.024297	0.983243

XLOC_021268	DOCK4	chr7:111366163-111846462	0.408551	0.415511	0.0243698	0.989716
XLOC_003116	ARL3	chr10:104433483-104474190	5.73007	5.82798	0.0244441	0.98225
XLOC_009607	C17orf75	chr17:30655459-30669228	2.27478	2.31366	0.0244517	0.985492
XLOC_018256	PPARD	chr6:35310334-35395968	12.1379	12.3471	0.0246461	0.98206
XLOC_011706	PAFAH1B3	chr19:42801184-42814973	102.193	103.959	0.0247132	0.98225
XLOC_010380	FECH	chr18:55212072-55253969	1.86361	1.89584	0.0247349	0.984084
XLOC_015969	DBR1	chr3:137879829-137893791	4.90974	4.99477	0.0247718	0.983664
XLOC_021614	MTFR1	chr8:66556887-66622798	13.7159	13.9544	0.0248763	0.981543
XLOC_008598	CNOT1	chr16:58549382-58663790	15.6604	15.934	0.0249931	0.981441
XLOC_020897	ZFAND2A	chr7:1192542-1199855	17.2426	17.5451	0.0250873	0.984455
XLOC_001402	MECR	chr1:29519384-29557454	16.184	16.4681	0.0251004	0.981441
XLOC_008038	MVP_PAGR1	chr16:29827527-29859360	27.6878	28.1741	0.025123	0.981798
XLOC_012750	PPP1R7	chr2:242089901-242122439	56.7932	57.793	0.0251761	0.981441
XLOC_001003	FAM72A	chr1:206138910-206155074	1.03196	1.0502	0.0252804	0.991053
XLOC_001051	KCTD3	chr1:215740734-215795149	4.60412	4.68562	0.0253141	0.982229
XLOC_006379	DAAM1	chr14:59655380-59838123	0.507435	0.516421	0.025324	0.989715
XLOC_003124	SH3PXD2A	chr10:105353783-105615164	1.2094	1.23087	0.0253794	0.983529
XLOC_001527	ATPAF1	chr1:47100710-47134099	25.0487	25.4933	0.0253801	0.981441
XLOC_001429	TMEM54	chr1:33352097-33366953	142.645	145.181	0.0254184	0.981441
XLOC_020961	IGF2BP3	chr7:23349827-23509995	6.17885	6.28878	0.0254407	0.981659
XLOC_003503	CNTF_ZFP91	chr11:58346586-58393205	6.47231	6.58764	0.0254815	0.981543
XLOC_020681	ARMC10	chr7:102715327-102789569	36.9421	37.6037	0.0256122	0.981602
XLOC_004265	GANAB	chr11:62392297-62414104	87.8723	89.4476	0.0256336	0.981441
XLOC_013505	ATRN	chr20:3451664-3631769	3.55694	3.6207	0.0256345	0.982866
XLOC_002858	YME1L1	chr10:27399039-27443349	24.974	25.4218	0.0256386	0.981441
XLOC_004476	SESN3	chr11:94898676-94965705	0.116138	0.118229	0.0257495	1
XLOC_010962	ARHGAP35	chr19:47421932-47508333	4.02819	4.10073	0.025752	0.981441
XLOC_023835	UXT	chrX:47511190-47519776	126.323	128.608	0.0258686	0.981022
XLOC_001593	SLC35D1	chr1:67465014-67520080	1.13822	1.15884	0.0258994	0.985692
XLOC_004301	TRMT112	chr11:64073043-64085033	422.624	430.289	0.0259326	0.985373
XLOC_014150	ITSN1	chr21:35014783-35261609	1.61603	1.6454	0.0259775	0.984034
XLOC_014858	NDUFA6	chr22:42481529-42486888	60.1461	61.2429	0.0260716	0.980677
XLOC_007784	VPS33B	chr15:91541773-91565833	7.46586	7.60227	0.0261231	0.98225
XLOC_017812	CDKL3	chr5:133634114-133702765	0.838302	0.853658	0.0261887	0.991637
XLOC_011941	MBOAT7	chr19:54677105-54693733	96.3895	98.1571	0.026217	0.980184
XLOC_013012	RETSAT	chr2:85569077-85581821	17.2318	17.5484	0.0262587	0.980228
XLOC_010367	CCDC11	chr18:47753562-47792865	1.31298	1.33711	0.0262726	0.990227
XLOC_006945	BTBD7	chr14:93703895-93799385	2.62203	2.67066	0.0265142	0.98552
XLOC_003052	IDE	chr10:94211440-94333852	3.48776	3.55247	0.0265228	0.981441
XLOC_002651	KAZALD1	chr10:102820998-102825351	3.12026	3.17819	0.0265404	0.985848
XLOC_013128	CLASP1	chr2:122095351-122407052	3.00981	3.0658	0.0265919	0.981354
XLOC_018667	C6orf62	chr6:24667262-24719403	32.5547	33.1607	0.0266111	0.982866
XLOC_001733	SIKE1	chr1:115312104-115323308	4.37149	4.45311	0.0266883	0.981335
XLOC_013638	MANBAL	chr20:35918050-35945663	54.5506	55.5712	0.0267425	0.980024
XLOC_013230	SLC25A12	chr2:172639914-172750816	4.04194	4.11795	0.0268801	0.982248
XLOC_004177	MTCH2	chr11:47638857-47664206	42.5145	43.3162	0.0269511	0.980228
XLOC_009243	NOL11	chr17:65714060-65740266	16.9512	17.271	0.0269577	0.980228
XLOC_012649	STK36	chr2:219528586-219567440	3.25906	3.32057	0.0269747	0.991515
XLOC_007341	C15orf37	chr15:80135888-80217196	2.17315	2.21418	0.0269856	0.994953

XLOC_019068	HDDC2	chr6:125596495-125623282	41.8093	42.6003	0.0270399	0.979267
XLOC_010583	DNM2	chr19:10828728-10942586	39.4192	40.1651	0.0270422	0.980126
XLOC_011542	COPE	chr19:19010322-19030199	255.271	260.111	0.0270998	0.978996
XLOC_021469	FDFT1	chr8:11660189-11696818	56.9979	58.0793	0.0271141	0.980052
XLOC_018444	CDC40	chr6:110501623-110553422	4.28501	4.36637	0.0271368	0.981441
XLOC_004739	DDX47	chr12:12966279-12982915	32.8616	33.4866	0.027179	0.979792
XLOC_021736	FAM91A1	chr8:124780881-124827690	10.1544	10.3478	0.0272173	0.980184
XLOC_022693	NELFB	chr9:140149758-140168000	96.494	98.3371	0.0272977	0.979338
XLOC_012493	CERS6	chr2:169312758-169642939	3.0427	3.10086	0.0273169	0.986782
XLOC_021127	YWHAG	chr7:75956107-75988342	39.4181	40.1721	0.0273364	0.978996
XLOC_022654	MRPS2	chr9:138392476-138396519	284.627	290.083	0.027391	0.98003
XLOC_023892	MTRNR2L10	chrX:55207823-55208944	1.28329	1.30789	0.0273939	0.991446
XLOC_008365	CEMP1	chr16:2570362-2581409	9.12445	9.29995	0.0274859	0.991446
XLOC_018072	RNF144B	chr6:18387580-18469105	0.172341	0.17567	0.0276085	1
XLOC_012985	BOLA3	chr2:74362527-74375039	80.9269	82.4959	0.0277023	0.981179
XLOC_008527	ZNF629	chr16:30789769-30798523	6.41142	6.5358	0.0277194	0.98003
XLOC_010547	TGFBR3L	chr19:7981031-7983980	0.611105	0.622964	0.02773	0.987173
XLOC_008926	KSR1	chr17:25799035-25950718	0.189955	0.193658	0.0278544	1
XLOC_000502	CDC7	chr1:91966403-91991321	2.2334	2.27696	0.027864	0.982567
XLOC_018430	AIM1	chr6:106959729-107018334	0.00738958	0.0075342	0.027962	1
XLOC_000518	ABCD3	chr1:94883932-94984219	9.1777	9.35812	0.0280859	0.982866
XLOC_005228	EFCAB4B	chr12:3724493-3862366	1.46584	1.49468	0.0281103	0.987173
XLOC_002693	SHOC2	chr10:112679300-112773425	4.93041	5.02766	0.0281779	0.981441
XLOC_011635	ZFP30	chr19:38123388-38146313	1.00914	1.02913	0.0282919	0.984547
XLOC_001195	FAM132A	chr1:1177825-1182102	1.07807	1.09942	0.0283034	0.994204
XLOC_023658	FMR1	chrX:146990948-147032647	4.64196	4.73417	0.0283759	0.980228
XLOC_017978	PDLIM7	chr5:176910394-176924602	85.6001	87.3017	0.0283968	0.978996
XLOC_009962	ATP5H	chr17:73034954-73043074	278.217	283.752	0.0284204	0.978818
XLOC_003134	SMNDC1	chr10:112052797-112064707	44.6208	45.5098	0.0284606	0.978818
XLOC_014720	LOC284889	chr22:24235896-24241117	1.85574	1.89274	0.0284843	0.997798
XLOC_015149	PRKCD	chr3:53195222-53226733	13.9868	14.2659	0.0285077	0.978818
XLOC_008143	POLR2C	chr16:57496550-57520385	48.8312	49.8062	0.0285238	0.981441
XLOC_015110	RBM6	chr3:49977476-50114685	12.7189	12.973	0.0285414	0.979802
XLOC_002882	CUL2	chr10:35297478-35379570	8.38703	8.5548	0.0285731	0.978818
XLOC_014454	RGL4	chr22:23980674-24059610	0.6517	0.664768	0.0286423	0.994204
XLOC_014777	EIF4ENIF1	chr22:31835344-31885874	4.10411	4.18651	0.0286788	0.981441
XLOC_007886	PDPK1	chr16:2587964-2653191	2.61229	2.66475	0.0286834	0.981441
XLOC_002659	PPRC1	chr10:103892786-103910090	11.2136	11.4389	0.0286909	0.978818
XLOC_005700	PPP1CC	chr12:111157612-111180783	93.3019	95.1764	0.028697	0.978818
XLOC_009651	PCGF2	chr17:36886509-36904558	41.9632	42.8077	0.028747	0.981441
XLOC_011584	ANKRD27	chr19:33087906-33166102	6.88149	7.02053	0.0288608	0.980126
XLOC_006756	HECTD1	chr14:31569323-31676689	3.61118	3.68416	0.028863	0.978649
XLOC_002881	PARD3	chr10:34398487-35104253	17.7319	18.091	0.0289281	0.978996
XLOC_014008	ELMO2	chr20:44994689-45035271	4.49049	4.58156	0.0289675	0.98003
XLOC_012518	ZAK	chr2:173940564-174146764	5.32422	5.43224	0.028977	0.981441
XLOC_014145	IFNAR2	chr21:34602230-34636820	8.57838	8.75248	0.0289876	0.981441
XLOC_001525	MKKN1	chr1:47004367-47069966	8.3987	8.56935	0.0290197	0.979451
XLOC_016740	USP46	chr4:53457126-53525502	1.12782	1.15076	0.0290388	0.98206
XLOC_013948	RBM39	chr20:34291530-34330258	43.4947	44.3803	0.0290785	0.978996

XLOC_003615	MALAT1	chr11:65265232-65273939	60.8082	62.0471	0.0290978	0.978818
XLOC_011343	DUS3L	chr19:5785152-5791249	40.4807	41.306	0.0291188	0.978818
XLOC_003158	CACUL1	chr10:120440493-120514758	7.41654	7.56779	0.0291254	0.978016
XLOC_003135	LOC282997	chr10:112628647-112630662	2.14782	2.19168	0.0291613	0.985692
XLOC_004426	INTS4	chr11:77589765-77705717	7.15785	7.30466	0.0292905	0.979338
XLOC_016475	UGT8	chr4:115519610-115598202	3.16876	3.23384	0.0293311	0.981441
XLOC_014798	EIF3D	chr22:36906896-36925277	219.118	223.624	0.0293667	0.978818
XLOC_002671	WBP1L	chr10:104503726-104576021	5.44884	5.56143	0.0295055	0.978996
XLOC_007146	CHST14	chr15:40763159-40765357	21.2526	21.6921	0.0295283	0.978818
XLOC_013129	MKI67IP	chr2:122407229-122494503	49.797	50.8272	0.0295401	0.978818
XLOC_013363	RNF25	chr2:219528586-219567440	26.5049	27.0544	0.0296043	0.981735
XLOC_022490	NIPSNAP3B	chr9:107526450-107536291	0.372739	0.380467	0.0296054	0.994204
XLOC_024033	CXorf56	chrX:118672111-118699397	10.1887	10.4001	0.0296202	0.979792
XLOC_012310	CIAO1	chr2:96931883-96939900	20.7017	21.1313	0.0296296	0.978818
XLOC_020866	NUB1	chr7:151038846-151075548	18.3497	18.7308	0.029654	0.978031
XLOC_022391	C9orf85	chr9:74526422-74588371	7.87457	8.03818	0.0296682	0.981441
XLOC_006775	SLC25A21	chr14:37147125-37642998	1.01945	1.04066	0.0297033	0.986782
XLOC_002696	ACSL5	chr10:114133915-114188138	0.0224808	0.0229489	0.0297321	1
XLOC_008931	TMEM97	chr17:26646120-26662515	23.9523	24.4519	0.0297838	0.981441
XLOC_012342	IL18R1	chr2:102979096-103015217	0.152362	0.155548	0.0298597	1
XLOC_010709	ARMC6	chr19:19144386-19168987	22.2999	22.7683	0.0299927	0.978818
XLOC_001587	ITGB3BP	chr1:63906440-63988944	15.83	16.1634	0.0300687	0.980228
XLOC_022018	PDE7A	chr8:66626568-66753969	1.59327	1.6269	0.0301344	0.981022
XLOC_020661	SRRT	chr7:100472700-100486285	42.7913	43.6945	0.0301351	0.97803
XLOC_001288	TMEM51-AS1	chr1:14925212-15478960	0.0837339	0.0855014	0.0301364	1
XLOC_011263	ODF3L2	chr19:463345-474983	0.74724	0.76303	0.0301677	0.994204
XLOC_014578	ADSL	chr22:40742503-40762575	65.56	66.9477	0.0302184	0.977897
XLOC_009970	CASKIN2	chr17:73452663-73511627	3.97401	4.05816	0.0302308	0.991515
XLOC_008273	FOXF1	chr16:86544132-86548070	1.72931	1.76597	0.0302621	0.987173
XLOC_021433	KBTBD11	chr8:1922043-1955109	3.34717	3.41815	0.0302778	0.979792
XLOC_007552	MFAP1	chr15:44096732-44116951	17.8358	18.2141	0.0302785	0.978031
XLOC_011427	TMED1	chr19:10943113-10946983	29.541	30.1688	0.0303383	0.978818
XLOC_023096	CIZ1	chr9:130928343-131017527	108.855	111.173	0.0303954	0.978818
XLOC_004875	TARBP2	chr12:53894704-53900215	23.9927	24.5039	0.0304208	0.978818
XLOC_016049	PDCD10	chr3:167401694-167452651	33.2023	33.9126	0.0305375	0.97803
XLOC_022903	HNRNPK	chr9:86582997-86595569	191.182	195.281	0.0306073	0.978031
XLOC_020975	HOXA2	chr7:27139972-27142394	0.138855	0.141843	0.0307211	1
XLOC_010794	COX6B1	chr19:36139124-36149686	406.528	415.287	0.0307515	0.977897
XLOC_002979	PCBD1	chr10:72643266-72648541	199.332	203.632	0.0307921	0.978818
XLOC_022707	CBWD1	chr9:121037-179075	9.15203	9.34964	0.0308183	0.978818
XLOC_005218	FBXL14	chr12:1675158-1703331	2.2869	2.33631	0.0308386	0.985768
XLOC_018383	SENP6	chr6:76311621-76427994	5.0943	5.20478	0.0309539	0.977897
XLOC_005109	TRAFD1	chr12:112563348-112591408	10.3195	10.5433	0.0309603	0.978818
XLOC_006312	SCFD1	chr14:31091459-31205033	6.70552	6.85133	0.0310328	0.978818
XLOC_003992	TRIM21	chr11:4406126-4414926	6.38553	6.52473	0.0311118	0.979338
XLOC_003850	ARCN1	chr11:118443101-118473747	26.2581	26.8308	0.0311278	0.977897
XLOC_020686	RINT1	chr7:105172531-105221976	9.30512	9.50809	0.0311319	0.978818
XLOC_009103	TMUB2	chr17:42264353-42269099	10.0811	10.3012	0.0311573	0.980052
XLOC_023631	SLC9A6	chrX:135067582-135129428	2.0788	2.12419	0.0311579	0.981441

XLOC_016537	DKFZP434I0714	chr4:153457415-153460415	0.812593	0.830345	0.0311781	0.986449
XLOC_014590	XRCC6	chr22:42017294-42060052	196.329	200.641	0.0313445	0.977857
XLOC_017502	HIGD2A	chr5:175815783-175816751	241.859	247.182	0.0314067	0.976134
XLOC_001182	LOC100133331	chr1:661138-665731	0.797923	0.815568	0.0315553	0.986998
XLOC_020950	TWISTNB	chr7:19735084-19748660	5.03301	5.145	0.0317516	0.97803
XLOC_009854	COX11	chr17:52978051-53046064	21.1956	21.6674	0.0317665	0.980228
XLOC_007754	UBE2Q2P1	chr15:85070426-85123412	0.156598	0.160086	0.0317772	1
XLOC_023135	SURF1	chr9:136218665-136223361	45.2444	46.2528	0.0318032	0.978031
XLOC_020695	CBLL1	chr7:107384278-107402083	6.23456	6.3737	0.0318417	0.977897
XLOC_021417	LMBR1	chr7:156473569-156685902	8.21075	8.39431	0.031897	0.97562
XLOC_008515	TBC1D10B	chr16:30368421-30381522	21.9596	22.4512	0.0319397	0.97562
XLOC_017306	CDC42SE2	chr5:130599701-130730382	5.43792	5.55972	0.031957	0.978743
XLOC_016021	PLCH1	chr3:155197670-155421997	0.42511	0.434639	0.0319807	0.984084
XLOC_007631	MTFMT	chr15:65293849-65321977	10.8331	11.0762	0.0320075	0.97666
XLOC_021585	UBE2V2	chr8:48920994-48974454	21.7775	22.2663	0.0320247	0.976411
XLOC_005253	PHB2	chr12:7074514-7079916	476.417	487.131	0.0320833	0.976134
XLOC_010810	CAPNS1	chr19:36630917-36641255	269.395	275.453	0.032086	0.975928
XLOC_006024	XPO4	chr13:21351467-21476913	2.61818	2.67707	0.0320944	0.977031
XLOC_001882	DPM3	chr1:155112366-155112996	118.966	121.644	0.0321199	0.978016
XLOC_000911	TOR1AIP1	chr1:179851176-179889212	15.5071	15.8572	0.0322052	0.976411
XLOC_008279	BANP	chr16:87985037-88110924	5.41904	5.5414	0.032212	0.981441
XLOC_018365	PRIM2	chr6:57182421-57513376	8.18766	8.37266	0.0322351	0.978678
XLOC_016673	RAB28	chr4:13369346-13485989	9.16301	9.37013	0.0322472	0.978818
XLOC_012599	CYP20A1	chr2:204103163-204170563	1.20219	1.22944	0.0323341	0.979338
XLOC_012449	R3HDM1	chr2:136289082-136482839	3.80406	3.89062	0.0324578	0.978016
XLOC_017190	ARHGEF28	chr5:72921982-73237818	9.82808	10.0517	0.0324595	0.976134
XLOC_009028	CDK12	chr17:37617738-37690800	4.79633	4.90576	0.0325456	0.975928
XLOC_018565	SCAF8	chr6:155054511-155155194	6.66173	6.81382	0.0325671	0.976582
XLOC_011411	EIF3G	chr19:10216898-10230599	316.992	324.262	0.0327127	0.978818
XLOC_021713	EMC2	chr8:109455852-109499136	33.265	34.0297	0.0327896	0.975928
XLOC_009033	ERBB2	chr17:37844392-37884915	16.7805	17.1685	0.0329808	0.975512
XLOC_008042	TAOK2	chr16:29985187-30003582	10.9556	11.2107	0.0332097	0.976134
XLOC_021035	POLD2	chr7:44154278-44163169	153.619	157.198	0.0332218	0.975484
XLOC_020830	ARHGEF5	chr7:144052488-144077725	3.29697	3.37407	0.0333478	0.978818
XLOC_016366	DCK	chr4:71859264-71896629	5.5944	5.72524	0.0333533	0.978753
XLOC_004350	PC	chr11:66615996-66725847	1.35697	1.38873	0.033377	0.994279
XLOC_005986	TNFSF13B	chr13:108921976-108960832	0.0527201	0.0539548	0.0334	1
XLOC_003835	PAFAH1B2	chr11:117014999-117047592	18.4128	18.8443	0.0334183	0.975492
XLOC_017860	SLC25A2	chr5:140682195-140683612	0.0426208	0.0436213	0.0334727	1
XLOC_022783	APTX	chr9:32972603-33001639	16.3163	16.6994	0.0334798	0.975928
XLOC_022732	PSIP1	chr9:15464064-15511003	27.3127	27.9541	0.0334863	0.977897
XLOC_009456	CTDNEP1	chr17:7146905-7155259	112.946	115.599	0.0334946	0.975492
XLOC_007203	DUT	chr15:48623620-48635570	39.1875	40.108	0.0334963	0.97562
XLOC_016326	CEP135	chr4:56814973-56899529	1.5132	1.54875	0.0335022	0.978818
XLOC_015588	FGD5-AS1	chr3:14984285-15106816	11.5584	11.8302	0.0335287	0.986181
XLOC_004890	COPZ1	chr12:54718873-54745635	95.8386	98.0932	0.0335466	0.975492
XLOC_021212	PPP1R35	chr7:100032911-100034094	68.6698	70.2855	0.0335519	0.97717
XLOC_006845	HIF1A-AS2	chr14:62162118-62215807	10.1008	10.3392	0.0336535	0.981179
XLOC_005236	TNFRSF1A	chr12:6437922-6451283	27.8553	28.5135	0.033692	0.975928

XLOC_009860	COIL	chr17:55015560-55038411	5.27998	5.40477	0.0337002	0.97822
XLOC_022581	C9orf16	chr9:130922538-130926207	392.819	402.106	0.0337125	0.975484
XLOC_005828	GTF3A	chr13:27998680-28024739	115.25	117.983	0.033819	0.977219
XLOC_016633	TMEM129	chr4:1717678-1723084	25.1061	25.7024	0.0338635	0.97562
XLOC_014074	YTHDF1	chr20:61826781-61847538	17.873	18.2977	0.0338806	0.975492
XLOC_012754	BOK	chr2:242483800-242513553	56.7977	58.1474	0.0338838	0.975492
XLOC_012408	PTPN4	chr2:120517206-120742474	0.544766	0.557735	0.0339437	0.980228
XLOC_007462	UBE3A	chr15:25582395-25684175	8.76566	8.9745	0.0339689	0.975492
XLOC_003313	PPFIBP2	chr11:7534995-7674996	1.80062	1.84353	0.0339799	0.981441
XLOC_014703	MAPK1	chr22:22113946-22221970	9.66313	9.89349	0.0339893	0.978818
XLOC_001598	WLS	chr1:68167148-68698284	36.0404	36.9003	0.0340198	0.986782
XLOC_002016	KIFAP3	chr1:169890469-170043879	1.90162	1.94704	0.0340496	0.980677
XLOC_022021	MYBL1	chr8:67474409-67525480	0.992122	1.0159	0.0341684	0.981603
XLOC_005370	IPO8	chr12:30781914-30848929	6.9819	7.1494	0.0342014	0.975492
XLOC_001695	AMIGO1	chr1:110049445-110052336	2.08677	2.13687	0.0342307	0.982133
XLOC_009596	BLMH	chr17:28575212-28619184	14.8367	15.1938	0.0343098	0.975928
XLOC_014827	JOSD1	chr22:39081547-39096459	21.0728	21.5803	0.0343393	0.975492
XLOC_021657	CA2	chr8:86376130-86393721	7.68103	7.86614	0.0343563	0.978016
XLOC_017970	UIMC1	chr5:176332005-176433795	10.6728	10.9302	0.0343731	0.975492
XLOC_015561	TADA3	chr3:9821653-9878040	65.9516	67.5429	0.0343977	0.982903
XLOC_009748	FAM134C	chr17:40731525-40767256	16.216	16.608	0.0344601	0.984445
XLOC_018781	DOM3Z	chr6:31937587-31949223	10.9529	11.218	0.0345079	0.981735
XLOC_006219	IRS2	chr13:110406183-110438914	3.88829	3.98268	0.0346015	0.977897
XLOC_013683	DBNDD2,SYS1	chr20:43990576-44039250	204.155	209.11	0.0346016	0.975928
XLOC_013153	FAM168B	chr2:131805448-131851004	10.0672	10.3116	0.0346075	0.975492
XLOC_018711	ZSCAN31	chr6:28292514-28304152	0.988769	1.01279	0.0346235	0.983529
XLOC_005025	SOCS2	chr12:93959403-93970521	9.00234	9.22101	0.0346241	0.975928
XLOC_016425	HERC5	chr4:89378267-89427319	0.0578234	0.0592296	0.0346653	1
XLOC_014164	SIM2	chr21:38071990-38122510	3.30854	3.38905	0.0346834	0.978574
XLOC_010713	MAU2	chr19:19431629-19469563	6.87883	7.04642	0.0347277	0.975522
XLOC_010290	AFG3L2	chr18:12328942-12377275	35.2908	36.151	0.034744	0.975454
XLOC_021096	SPDYE7P	chr7:72333317-72339655	1.30044	1.33229	0.0349082	0.980184
XLOC_013741	VAPB	chr20:56964174-57026156	6.63971	6.8028	0.0350079	0.975484
XLOC_005880	GTF2F2	chr13:45694630-45858239	24.2698	24.8663	0.0350295	0.975492
XLOC_014941	FANCD2	chr3:10068112-10149915	2.52221	2.58437	0.0351255	0.97822
XLOC_009787	PLCD3	chr17:43189007-43209891	17.7071	18.1439	0.0351533	0.975484
XLOC_005320	LOH12CR2	chr12:12508341-12510001	0.241623	0.247594	0.0352233	1
XLOC_001911	MEF2D	chr1:156433512-156470634	9.01419	9.23831	0.0354313	0.975454
XLOC_002643	HIF1AN	chr10:102295640-102313681	5.78823	5.93217	0.0354374	0.975231
XLOC_007247	SNX1	chr15:64388082-64436433	5.72006	5.86238	0.0354559	0.975454
XLOC_003220	IFITM1	chr11:313990-315272	1.11819	1.14608	0.0355412	0.994068
XLOC_007309	SCAMP5	chr15:75287875-75313836	22.2111	22.7678	0.0357123	0.97515
XLOC_006730	EMC9	chr14:24605377-24610797	33.9593	34.8104	0.0357158	0.993173
XLOC_003226	PHRF1	chr11:576482-612222	8.93792	9.16233	0.0357747	0.975492
XLOC_010502	HDGFRP2	chr19:4472254-4517716	38.5632	39.5319	0.0357905	0.975375
XLOC_001414	PEF1	chr1:32095462-32110838	31.9802	32.7848	0.0358491	0.97517
XLOC_002449	MAPK8	chr10:49609686-49643183	7.47613	7.66445	0.0358907	0.977897
XLOC_023709	TAZ	chrX:153626570-153650063	20.1027	20.6097	0.0359401	0.995019
XLOC_008230	PSMD7	chr16:74330672-74340186	47.1002	48.2931	0.036084	0.974073

XLOC_010670	MYO9B	chr19:17186590-17324104	12.9525	13.2806	0.0360937	0.974083
XLOC_001575	OMA1	chr1:58946390-59012446	6.33893	6.49968	0.0361297	0.978016
XLOC_011014	PPFIA3	chr19:49622662-49654280	4.23436	4.34182	0.0361546	0.977897
XLOC_005743	COQ5	chr12:120941081-120966964	15.4703	15.863	0.0361696	0.975492
XLOC_018974	UBE3D	chr6:83602185-83775545	1.51394	1.55247	0.0362589	0.983243
XLOC_023153	C9orf116	chr9:138387025-138391761	25.6331	26.2875	0.0363674	0.97822
XLOC_022593	PKN3	chr9:131464801-131486408	76.6661	78.6274	0.0364432	0.975928
XLOC_017580	DAP	chr5:10679341-10761387	35.4124	36.3188	0.0364604	0.974073
XLOC_002865	WAC-AS1	chr10:28808845-28821283	17.5747	18.0246	0.0364677	0.974073
XLOC_023879	SMC1A	chrX:53401069-53449618	4.78951	4.91249	0.0365764	0.973295
XLOC_012691	ITM2C	chr2:231729620-231743963	100.138	102.712	0.0366063	0.973852
XLOC_015480	ECE2	chr3:183967444-184010819	43.9394	45.0687	0.0366105	0.981441
XLOC_012807	LAPTM4A	chr2:20232410-20251789	83.9564	86.1208	0.0367203	0.972779
XLOC_014467	ADORA2A	chr22:24823529-24890783	1.27933	1.31232	0.0367353	0.985175
XLOC_009844	MRPL27	chr17:48445227-48450562	66.2348	67.9477	0.0368359	0.974777
XLOC_004909	METTL7B	chr12:56075329-56106089	3.23946	3.32336	0.0368872	0.990368
XLOC_017949	FBXW11	chr5:171288555-171433877	8.38128	8.59839	0.0368948	0.974603
XLOC_018366	PTP4A1	chr6:64281919-64293489	14.0798	14.4446	0.0369084	0.972923
XLOC_015164	PTPRG	chr3:61547242-62304622	1.24405	1.27631	0.0369342	0.978818
XLOC_023583	DOCK11	chrX:117629871-117820123	0.72282	0.741582	0.03697	0.978996
XLOC_008288	TRAPPC2L	chr16:88923505-88927520	79.8581	81.9325	0.0369973	0.974348
XLOC_000365	TMEM69	chr1:46153846-46216485	42.2761	43.3768	0.0370804	0.974073
XLOC_010930	APOE	chr19:45409038-45412650	0.74616	0.765589	0.037085	0.993157
XLOC_010428	FSTL3	chr19:676388-683392	38.0991	39.092	0.0371163	0.971919
XLOC_017730	CCNH	chr5:86690078-86708850	28.0006	28.7307	0.0371365	0.974538
XLOC_020790	AGK	chr7:141251077-141354209	11.7811	12.0883	0.0371383	0.974073
XLOC_014540	KCTD17	chr22:37447778-37459430	23.1345	23.7384	0.0371748	0.975484
XLOC_011693	ATP5SL	chr19:41937222-41945843	28.1383	28.8766	0.0373648	0.974777
XLOC_010553	RAB11B	chr19:8439259-8469317	88.9866	91.3222	0.0373765	0.974348
XLOC_002681	SFR1	chr10:105881815-105886143	4.80168	4.9279	0.0374339	0.978818
XLOC_000243	SERINC2	chr1:31882411-31907527	31.7941	32.6306	0.0374687	0.97395
XLOC_014511	SMTN	chr22:31477281-31500610	87.4478	89.75	0.0374911	0.974593
XLOC_002895	ZNF32	chr10:44124264-44170147	25.748	26.4262	0.0375101	0.975484
XLOC_001687	CLCC1	chr1:109419602-109506111	5.36538	5.50681	0.0375382	0.97664
XLOC_014741	PITPNB	chr22:28247656-28315255	18.1705	18.6501	0.0375844	0.972717
XLOC_017058	NKD2	chr5:1009076-1038927	13.4385	13.7932	0.0375848	0.975928
XLOC_002629	PI4K2A	chr10:99400442-99436187	15.7242	16.1395	0.037611	0.97362
XLOC_022580	LCN2	chr9:130911731-130915734	0.0910613	0.0934665	0.0376112	1
XLOC_001485	LOC100130557	chr1:41154751-41237275	0.514159	0.527779	0.0377209	0.994593
XLOC_002395	WAC	chr10:28821421-28912041	22.7529	23.3568	0.0377974	0.97362
XLOC_007212	USP8	chr15:50716578-50838902	4.4313	4.54909	0.0378479	0.975191
XLOC_014779	PRR14L	chr22:32077333-32146120	1.66451	1.70883	0.0379174	0.975454
XLOC_007662	TLE3	chr15:70340542-70390256	8.57461	8.80321	0.0379591	0.974348
XLOC_000782	PRCC	chr1:156737273-156770609	22.2849	22.8795	0.0379895	0.974348
XLOC_011922	ZNF320	chr19:53379424-53394599	2.44735	2.51279	0.0380706	0.975492
XLOC_008505	FAM57B	chr16:30034654-30042186	0.301785	0.309884	0.0382069	1
XLOC_000347	RNF220	chr1:44870959-45117396	41.04	42.1432	0.0382706	0.970533
XLOC_014776	PATZ1	chr22:31721789-31742249	19.3689	19.8904	0.0383348	0.974073
XLOC_008739	LOC100130015	chr16:90089007-90114191	3.6221	3.71998	0.0384681	0.990368

XLOC_023597	MCTS1	chrX:119737743-119755016	2.89515	2.9735	0.0385218	0.974073
XLOC_015747	ABHD14B	chr3:52002525-52008646	46.5498	47.8095	0.0385222	0.971173
XLOC_007647	SNAPC5	chr15:66679210-66790146	8.42604	8.65417	0.0385415	0.994507
XLOC_021507	KIAA1967	chr8:22462144-22526661	38.0805	39.1129	0.0385928	0.975484
XLOC_005695	ARPC3	chr12:110872705-110888158	275.288	282.768	0.0386782	0.972717
XLOC_015898	HCLS1	chr3:121350245-121379791	0.380354	0.39071	0.0387532	0.986368
XLOC_016435	PDLIM5	chr4:95373007-95589378	3.09382	3.1783	0.0388677	0.978818
XLOC_023853	GPKOW	chrX:48969021-48980079	9.21226	9.46404	0.038901	0.973305
XLOC_008036	MAZ	chr16:29817416-29822504	125.297	128.721	0.0389022	0.973775
XLOC_008654	COG4	chr16:70514471-70557457	10.0916	10.3675	0.0389115	0.974348
XLOC_016919	CCNA2	chr4:122722471-122745088	16.7606	17.2194	0.0389613	0.978216
XLOC_023019	FKBP15	chr9:115927799-115983641	26.9393	27.6782	0.0390398	0.971768
XLOC_005687	KCTD10	chr12:109886459-109915155	10.3092	10.5925	0.0391063	0.971768
XLOC_021011	HERPUD2	chr7:35672269-35734772	6.57124	6.75191	0.0391295	0.974777
XLOC_016647	TMEM128	chr4:4237268-4249934	13.7572	14.1358	0.0391639	0.974348
XLOC_017290	CSNK1G3	chr5:122847792-122952738	6.10973	6.278	0.0391952	0.972779
XLOC_024186	IRAK1	chrX:153275956-153285342	142.696	146.636	0.0392905	0.971663
XLOC_021430	CLN8	chr8:1711869-1734736	2.34027	2.40495	0.0393333	0.975492
XLOC_007131	C15orf41	chr15:36871811-37110707	2.09433	2.15242	0.0394722	0.978818
XLOC_013053	ANKRD39	chr2:97513723-97523756	19.7541	20.3056	0.0397255	0.97562
XLOC_012819	ITSN2	chr2:24425734-24583397	1.30394	1.34038	0.0397619	0.97664
XLOC_023350	CDK16	chrX:47077527-47089394	42.0484	43.2268	0.0398757	0.971173
XLOC_015293	DTX3L	chr3:122246759-122294049	1.55405	1.59763	0.0398977	0.98003
XLOC_009453	DVL2	chr17:7128660-7137863	30.1835	31.0306	0.0399306	0.970681
XLOC_008050	ZNF48	chr16:30389453-30411429	10.5232	10.8186	0.0399501	0.974073
XLOC_007772	KIF7	chr15:90118817-90198682	8.91112	9.16177	0.0400199	0.98003
XLOC_012381	CHCHD5	chr2:113342035-113346617	36.193	37.2117	0.0400487	0.975454
XLOC_009976	WBP2	chr17:73841779-73851501	141.351	145.33	0.0400505	0.970185
XLOC_018535	LTV1	chr6:144164507-144184943	14.3197	14.7234	0.0401119	0.971768
XLOC_011244	ZSCAN22	chr19:58838384-58853712	1.29342	1.32991	0.0401332	0.978818
XLOC_020552	GTF2I	chr7:74072029-74175022	1.02492	1.05384	0.0401484	0.979338
XLOC_002690	SMC3	chr10:112327448-112364392	9.35994	9.62433	0.0401872	0.970533
XLOC_017323	UBE2B	chr5:133706869-133727799	22.8343	23.4808	0.0402777	0.970994
XLOC_022220	EEF1D	chr8:144661866-144679845	1358.5	1397.08	0.0403999	0.972717
XLOC_021938	KIF13B	chr8:28924794-29120610	1.57362	1.61832	0.040407	0.975492
XLOC_013518	LOC643406	chr20:5451841-5457780	0.160488	0.165051	0.0404498	1
XLOC_018174	MRPS18B	chr6:30585485-30594174	79.2788	81.5362	0.0405058	0.969901
XLOC_021572	POLB	chr8:42195972-42229331	21.8146	22.4361	0.0405258	0.971449
XLOC_007158	OIP5-AS1	chr15:41576200-41591795	7.97469	8.20293	0.04071	0.974108
XLOC_003171	CUZD1,FAM24B	chr10:124591670-124658230	9.98454	10.2709	0.040799	0.981441
XLOC_015100	NDUFAF3	chr3:49044636-49060926	68.0987	70.0555	0.0408706	0.988336
XLOC_000039	PRDM16	chr1:2985741-3355185	1.53369	1.5778	0.0409144	0.975928
XLOC_015631	LRRFIP2	chr3:37094116-37217851	8.76183	9.01477	0.0410581	0.970533
XLOC_005704	BRAP	chr12:112079949-112123790	5.07744	5.2241	0.0410806	0.971282
XLOC_012370	LOC440894	chr2:110744556-110752858	1.48558	1.5285	0.0410903	0.981441
XLOC_004306	MAP4K2	chr11:64556608-64570713	15.7096	16.164	0.0411452	0.970185
XLOC_014631	GRAMD4	chr22:47022657-47075688	9.03968	9.3012	0.0411461	0.971768
XLOC_018034	CDYL	chr6:4706392-4955778	6.93096	7.1322	0.0412919	0.972923
XLOC_017673	DIMT1	chr5:61684350-61699728	26.9258	27.7088	0.0413575	0.970185

XLOC_005776	NCOR2	chr12:124808956-125052010	8.86904	9.1273	0.0414105	0.969826
XLOC_010587	CARM1	chr19:10982252-11039357	49.5551	51.0015	0.0415065	0.973765
XLOC_020865	CHPF2	chr7:150929584-150935905	37.3979	38.4895	0.0415089	0.977897
XLOC_010937	GEMIN7	chr19:45582517-45594782	23.4216	24.1053	0.0415107	0.970185
XLOC_022414	NAA35	chr9:88556056-88637217	8.98053	9.24298	0.0415585	0.971088
XLOC_014421	ZNF74	chr22:20748404-20762753	7.81404	8.04271	0.0416135	0.971528
XLOC_015909	PTPLB	chr3:123213362-123303924	0.660027	0.679437	0.0418139	0.984084
XLOC_007533	TMEM87A	chr15:42502725-42565755	9.76378	10.0516	0.0419116	0.970332
XLOC_002908	SYT15	chr10:46955443-46970601	0.748877	0.770961	0.0419293	0.988433
XLOC_010563	LOC284385	chr19:9732157-9745538	2.2677	2.33458	0.0419294	0.978031
XLOC_022780	TOPORS	chr9:32540541-32553015	2.64564	2.72381	0.0420082	0.975654
XLOC_009300	SNHG16	chr17:74553845-74561430	132.672	136.598	0.0420697	0.969271
XLOC_005932	PIBF1	chr13:73302041-73590591	1.65475	1.70377	0.0421122	0.993923
XLOC_004093	KCNJ11	chr11:17406795-17410878	5.39203	5.55185	0.0421385	0.974348
XLOC_018116	HMGNA	chr6:26538571-26547164	50.4299	51.9268	0.0422013	0.967866
XLOC_022561	GAPVD1	chr9:128024110-128127290	6.08562	6.26649	0.0422521	0.967978
XLOC_003734	USP35	chr11:77899857-77925757	2.62469	2.70275	0.0422814	0.975492
XLOC_011938	TFPT	chr19:54610319-54635150	11.1606	11.4925	0.0422823	0.991515
XLOC_001660	GCLM	chr1:94352589-94375012	2.92327	3.01041	0.0423774	0.975484
XLOC_007955	PDXDC1	chr16:15068832-15131552	10.3	10.6077	0.0424559	0.969077
XLOC_005879	KIAA1704	chr13:45563686-45602404	2.92944	3.01694	0.0424626	0.978564
XLOC_016074	MRPL47	chr3:179306254-179322434	35.3166	36.3735	0.0425395	0.968919
XLOC_015962	AMOTL2	chr3:134074189-134093406	20.5263	21.1407	0.0425474	0.967296
XLOC_009110	HIGD1B	chr17:42923720-42976993	0.141241	0.145473	0.0425966	1
XLOC_012761	LOC728323	chr2:243030843-243102469	0.333957	0.343985	0.0426796	1
XLOC_020383	HDAC9	chr7:18126571-19036992	6.71185	6.91378	0.0427656	0.968712
XLOC_004636	NCAPD3	chr11:134022336-134094426	1.38922	1.43103	0.0427755	0.97562
XLOC_009518	ZSWIM7	chr17:15879874-15932723	9.04941	9.32192	0.0428028	0.988434
XLOC_022978	ERP44	chr9:102741462-102861330	14.9751	15.4262	0.0428234	0.967458
XLOC_007223	FLJ27352	chr15:55611132-55800432	1.28943	1.32829	0.0428352	0.994734
XLOC_014933	BRPF1	chr3:9773433-9789699	5.33838	5.49929	0.0428426	0.970185
XLOC_004104	SPTY2D1	chr11:18621350-18656020	2.5587	2.63584	0.0428506	0.972194
XLOC_015486	CHRD	chr3:184097860-184107617	2.03638	2.09785	0.042906	0.978818
XLOC_005410	SENP1	chr12:48436680-48540187	3.05568	3.14812	0.0429939	0.992882
XLOC_015746	PCBP4	chr3:51989329-52001482	42.6905	43.9818	0.0429943	0.968279
XLOC_008039	LOC440356	chr16:29875003-29879374	0.165194	0.170193	0.0430098	1
XLOC_010457	REEP6	chr19:1491164-1497924	25.288	26.0534	0.0430201	0.971663
XLOC_014616	NUP50	chr22:45559725-45583890	9.59909	9.88991	0.0430601	0.968154
XLOC_002824	CDNF	chr10:14861250-14879983	1.86527	1.92183	0.0430968	0.980228
XLOC_021946	GTF2E2	chr8:30436030-30515738	20.9017	21.5357	0.0431095	0.969826
XLOC_023185	ENTPD2	chr9:139942550-139948503	154.476	159.174	0.0432254	0.967296
XLOC_000678	ECM1	chr1:150480486-150486265	1.22368	1.26096	0.0432879	0.981441
XLOC_009480	CTC1	chr17:8128138-8151413	2.58073	2.65948	0.0433617	0.971528
XLOC_011818	BCAT2	chr19:49298318-49314320	95.1258	98.0289	0.0433713	0.967343
XLOC_002931	ERCC6,PGBD3	chr10:50664490-50747147	1.49682	1.54255	0.0434129	0.978818
XLOC_022646	RXRA	chr9:137218315-137332431	15.6572	16.1358	0.0434332	0.967343
XLOC_001522	POMGNT1	chr1:46654352-46686928	30.9813	31.9313	0.0435724	0.967343
XLOC_022396	OSTF1	chr9:77703397-77762114	15.2622	15.7305	0.0435976	0.970185
XLOC_015700	ARIH2OS	chr3:48955220-49022971	1.71733	1.77003	0.0436088	0.93285

XLOC_011634	ZNF571	chr19:38039850-38105079	0.702663	0.724228	0.0436117	0.982805
XLOC_003063	TCTN3	chr10:97423152-97453900	21.947	22.6208	0.0436252	0.967343
XLOC_020526	STAG3L4	chr7:66767624-66786513	5.83274	6.01206	0.0436845	0.972064
XLOC_012632	PKI55	chr2:217081611-217084915	1.29764	1.33755	0.0437076	0.977021
XLOC_020369	MIOS	chr7:7606615-7647110	6.65141	6.85608	0.0437222	0.968712
XLOC_012835	PREB	chr2:27346656-27357542	41.0565	42.3232	0.0438405	0.967458
XLOC_022560	RABEPK	chr9:127962820-127996438	42.872	44.195	0.0438481	0.967343
XLOC_002876	KIF5B	chr10:32297937-32345371	13.9422	14.3731	0.0439188	0.96692
XLOC_012890	ZFP36L2	chr2:43449540-43453745	7.31564	7.54185	0.0439341	0.970185
XLOC_016750	NMU	chr4:56461397-56502465	16.9618	17.4863	0.0439382	0.974777
XLOC_000212	ZDHHC18	chr1:27153200-27182211	25.4761	26.2647	0.0439798	0.967343
XLOC_010800	C19orf55	chr19:36249043-36260077	1.475	1.52071	0.0440273	0.981441
XLOC_006380	JKAMP	chr14:59951160-60043549	14.8426	15.303	0.0440756	0.967675
XLOC_015001	CMTM7	chr3:32433162-32496333	80.4967	82.9958	0.0441071	0.967226
XLOC_008746	TIMM22	chr17:900356-905390	23.8909	24.6338	0.0441749	0.968512
XLOC_011619	ZNF565	chr19:36673186-36729675	0.656752	0.677189	0.0442089	0.981441
XLOC_007432	MEF2A	chr15:100106132-100256629	3.9876	4.11197	0.0443076	0.968157
XLOC_023878	IQSEC2	chrX:53262057-53350522	6.98189	7.19964	0.0443083	0.978818
XLOC_023335	DDX3X	chrX:41192650-41209524	30.2741	31.2184	0.0443098	0.967343
XLOC_016710	TMEM156	chr4:38968440-39034041	0.0929234	0.0958277	0.0444	1
XLOC_010773	GRAMD1A	chr19:35491245-35517373	78.6339	81.0918	0.044404	0.966577
XLOC_018049	PAK1IP1	chr6:10695187-10709970	15.2762	15.7538	0.0444122	0.968157
XLOC_010638	PKN1	chr19:14544165-14582679	110.357	113.808	0.0444226	0.967296
XLOC_004953	MARCH9	chr12:58148880-58154193	14.2444	14.6903	0.0444715	0.967458
XLOC_022405	TLE4	chr9:82186877-82341656	0.530469	0.547113	0.0445689	0.981441
XLOC_020623	TRRAP	chr7:98476112-98610866	5.31606	5.48291	0.0445846	0.967296
XLOC_022411	RMI1	chr9:86595636-86618987	1.93843	1.99928	0.044588	0.975484
XLOC_019156	SERAC1	chr6:158530535-158589312	3.23094	3.33244	0.0446216	0.970539
XLOC_004102	TSG101	chr11:18501857-18548503	36.5183	37.6672	0.0446871	0.964843
XLOC_022431	SYK	chr9:93564011-93660842	8.63973	8.91154	0.0446885	0.967343
XLOC_008632	CTRL	chr16:67927174-67965778	1.37237	1.41559	0.0447283	0.994204
XLOC_016630	CTBP1	chr4:1205227-1242908	41.7231	43.037	0.0447301	0.967226
XLOC_008884	MPRIP	chr17:16946073-17095962	8.57938	8.84986	0.0447808	0.966398
XLOC_019019	ATG5	chr6:106632351-106773695	7.89659	8.14607	0.0448735	0.967343
XLOC_009486	MYH10	chr17:8377522-8534079	0.0603961	0.0623089	0.0449811	1
XLOC_017537	BTNL9	chr5:180467224-180488523	2.73744	2.82414	0.0449851	0.974757
XLOC_011006	BAX	chr19:49458116-49465055	200.273	206.617	0.044991	0.967343
XLOC_020547	EIF4H	chr7:73588705-73611429	188.728	194.714	0.0450482	0.967343
XLOC_006866	ZFYVE26	chr14:68213236-68283306	1.59031	1.64082	0.0451149	0.970533
XLOC_022623	POMT1	chr9:134378288-134406662	20.4809	21.1324	0.0451743	0.979358
XLOC_018289	FOXP4	chr6:41514163-41570122	8.38355	8.65088	0.0452856	0.966771
XLOC_021395	KCNH2	chr7:150642043-150675402	19.4336	20.0542	0.0453553	0.967296
XLOC_000401	CPT2	chr1:53662100-53686289	10.3328	10.6628	0.0453559	0.977471
XLOC_021372	ARHGEF35	chr7:143883175-143892791	1.5356	1.5847	0.0454023	0.978016
XLOC_003740	TMEM126A	chr11:85358962-85367597	27.7951	28.6842	0.0454254	0.969901
XLOC_013609	ACTL10	chr20:32244892-32262264	2.49139	2.5711	0.0454321	0.993157
XLOC_014081	HELZ2	chr20:62189438-62205592	2.56104	2.64301	0.0454548	0.972463
XLOC_021308	TNPO3	chr7:128594233-128695227	14.6601	15.1307	0.0455847	0.966307
XLOC_001076	EPHX1	chr1:225997796-226070420	16.03	16.5449	0.045612	0.97714

XLOC_006786	FKBP3	chr14:45553301-45603732	36.3781	37.5483	0.0456789	0.971173
XLOC_012154	EML4	chr2:42396489-42559688	4.56605	4.71302	0.0457035	0.967343
XLOC_006087	FOXO1	chr13:41129800-41240734	1.2251	1.26454	0.045712	0.975492
XLOC_007465	GABRB3	chr15:26788693-27018935	0.831323	0.858089	0.0457178	0.976381
XLOC_005521	CS	chr12:56665482-56694175	65.5845	67.701	0.0458236	0.965534
XLOC_005882	COG3	chr13:46039029-46110833	2.35509	2.43112	0.0458355	0.970185
XLOC_006487	PSMC1	chr14:90722893-90738966	81.3073	83.9323	0.0458419	0.96623
XLOC_001298	RSG1	chr1:16558181-16563659	1.71519	1.77064	0.0459014	0.981441
XLOC_014298	C21orf59	chr21:33973983-33984918	36.845	38.0363	0.0459076	0.966058
XLOC_003175	CHST15	chr10:125767181-125853123	8.33067	8.60021	0.0459403	0.967226
XLOC_018761	BAG6	chr6:31606804-31625987	56.398	58.2259	0.0460159	0.967226
XLOC_002354	HSPA14	chr10:14880260-14913740	16.8576	17.4046	0.0460672	0.967296
XLOC_014146	IL10RB	chr21:34638664-34669539	18.395	18.9925	0.0461101	0.96645
XLOC_021281	FAM3C	chr7:120988904-121036422	19.454	20.0865	0.0461622	0.965989
XLOC_003643	PELI3	chr11:66233797-66244808	10.072	10.3996	0.0461811	0.970185
XLOC_018450	TRAF3IP2-AS1	chr6:111804674-111927477	3.16867	3.2718	0.0462079	0.994204
XLOC_018692	GUSBP2	chr6:26839265-26924333	0.225932	0.233288	0.0462256	1
XLOC_018431	QRSL1	chr6:107077440-107116292	4.41992	4.56405	0.0462958	0.967343
XLOC_001178	WASH7P	chr1:11873-29370	9.3175	9.62146	0.0463131	0.970533
XLOC_021537	DCTN6	chr8:29920257-30108213	17.6799	18.2569	0.0463279	0.989274
XLOC_018305	KLHDC3	chr6:42981840-42989036	46.6672	48.1915	0.0463695	0.963969
XLOC_001720	SLC16A1	chr1:113454469-113498975	36.5614	37.756	0.0463845	0.963969
XLOC_015133	ABHD14A,ACY1	chr3:52009041-52023218	100.176	103.452	0.0464188	0.967296
XLOC_021947	GSR	chr8:30535579-30585486	21.1696	21.8639	0.0465559	0.964843
XLOC_018590	MAP3K4	chr6:161412821-161538417	1.96926	2.0339	0.0465997	0.972152
XLOC_012109	SLC4A1AP	chr2:27848505-27917847	7.1715	7.40743	0.0466995	0.985256
XLOC_023259	MSL3	chrX:11776277-11793872	14.1259	14.5914	0.046772	0.965545
XLOC_014371	UBE2G2	chr21:46188494-46221751	21.0269	21.7203	0.0468056	0.963608
XLOC_012235	ZNF638	chr2:71558884-71662191	5.33521	5.51219	0.0470787	0.964442
XLOC_018576	TMEM181	chr6:158957467-159056467	4.19463	4.33431	0.0472601	0.967343
XLOC_022385	FXN	chr9:71650478-71715094	9.20074	9.50724	0.0472767	0.980529
XLOC_002263	ERO1LB	chr1:236378421-236445339	1.58042	1.6331	0.0473057	0.971528
XLOC_001370	STMN1	chr1:26210676-26233368	176.673	182.58	0.0474444	0.964843
XLOC_016004	SERP1	chr3:150259779-150264428	45.0087	46.514	0.0474612	0.964628
XLOC_012638	ARPC2	chr2:219081873-219119071	205.146	212.007	0.0474669	0.963969
XLOC_018605	LINC00574	chr6:170188885-170202969	0.0937302	0.0968754	0.0476167	1
XLOC_004343	SLC29A2	chr11:66129991-66139291	13.6601	14.119	0.0476789	0.967307
XLOC_000322	PPIH	chr1:43124047-43142429	77.2109	79.8063	0.0476994	0.964334
XLOC_000303	CAP1	chr1:40506254-40538321	72.139	74.5648	0.0477148	0.963969
XLOC_020436	LOC401321	chr7:32797897-32802536	2.56971	2.65622	0.0477696	0.970185
XLOC_005427	DDN	chr12:49388932-49393088	4.76183	4.92284	0.0479733	0.970463
XLOC_013533	NDUFAF5	chr20:13765671-13799067	5.77564	5.97127	0.0480572	0.968512
XLOC_005805	SAP18	chr13:21714652-21723224	42.5663	44.0083	0.0480646	0.964442
XLOC_013782	PPDPF	chr20:62152132-62153524	554.721	573.532	0.048112	0.964442
XLOC_009163	XYLT2	chr17:48423392-48438512	15.6111	16.1412	0.0481799	0.964345
XLOC_014796	TXN2	chr22:36863092-36877687	95.5172	98.7625	0.0482029	0.963969
XLOC_021407	RHEB	chr7:151163097-151217010	84.6331	87.5103	0.0482312	0.964843
XLOC_009538	SHMT1	chr17:18218593-18266856	16.3441	16.9005	0.0482947	0.973011
XLOC_009258	COG1	chr17:71189172-71228533	7.44042	7.69401	0.0483507	0.980292

XLOC_022627	GTF3C4	chr9:135469675-135565470	5.55694	5.74642	0.0483716	0.98225
XLOC_020527	AUTS2	chr7:69063904-70257885	1.73548	1.79481	0.0484964	0.971173
XLOC_017376	PCDHB8	chr5:140557370-140560081	1.47155	1.52188	0.0485197	0.978096
XLOC_015814	FOXP1	chr3:71003864-71633140	2.7812	2.87683	0.048773	0.981441
XLOC_006864	VTI1B	chr14:68086578-68141602	68.4113	70.7684	0.0488701	0.972923
XLOC_001368	AUNIP	chr1:26160496-26185848	6.32039	6.53828	0.0488976	0.967653
XLOC_023053	RBM18	chr9:125001833-125085742	7.37534	7.62973	0.0489227	0.981975
XLOC_000072	NMNAT1	chr1:10003485-10045556	2.48659	2.57246	0.0489845	0.969826
XLOC_009991	CYGB	chr17:74523429-74541458	0.233816	0.241897	0.049021	1
XLOC_007777	AP3S2,C15orf38,C	chr15:90373830-90456222	13.6113	14.0822	0.0490724	0.970185
XLOC_006395	MTHFD1	chr14:64854758-64926725	32.5513	33.6777	0.0490787	0.961132
XLOC_015585	CHCHD4	chr3:14153576-14166371	15.261	15.7892	0.0490821	0.96513
XLOC_004883	HOXC8	chr12:54402889-54406545	2.3743	2.45662	0.0491729	0.975492
XLOC_013373	CNPPD1	chr2:220036618-220041702	43.4534	44.9615	0.0492217	0.962642
XLOC_015902	CCDC58	chr3:122078435-122102074	43.9001	45.4269	0.0493223	0.965886
XLOC_023881	HUWE1	chrX:53559056-53713697	6.93529	7.17652	0.0493288	0.960809
XLOC_011466	FARSA	chr19:13033283-13044558	98.1828	101.598	0.0493318	0.962766
XLOC_005864	SLC25A15	chr13:41363546-41495910	5.09299	5.2702	0.0493458	0.967343
XLOC_011423	CDKN2D	chr19:10677137-10679655	9.32267	9.64733	0.0493875	0.971919
XLOC_021780	GSDMD	chr8:144635556-144645231	49.3555	51.0798	0.0495425	0.963608
XLOC_010035	C17orf70	chr17:79506910-79519429	13.7932	14.2752	0.0495552	0.964843
XLOC_017360	IK	chr5:140027383-140042065	20.4589	21.1739	0.0495576	0.963969
XLOC_007440	WASH3P	chr15:102501015-102519296	11.6721	12.081	0.0496694	0.965398
XLOC_011422	KRI1	chr19:10654646-10676702	19.9999	20.7005	0.0496734	0.967343
XLOC_012296	RPIA	chr2:88991175-89050452	16.3519	16.9254	0.0497301	0.962946
XLOC_001346	HNRNPR	chr1:23636275-23670853	49.0367	50.7568	0.04974	0.963259
XLOC_006485	TDP1	chr14:90422245-90511108	8.16883	8.45594	0.0498352	0.964843
XLOC_002725	INPP5F	chr10:121485558-121588662	4.39414	4.54861	0.049845	0.976866
XLOC_021049	TBRG4	chr7:45139698-45151346	71.7004	74.2219	0.0498642	0.961459
XLOC_018248	HMGA1	chr6:34204576-34214008	1284.69	1329.94	0.0499362	0.963969
XLOC_006833	FLJ31306	chr14:58711522-58764855	10.8118	11.1929	0.0499657	0.981441
XLOC_015741	VPRBP	chr3:51428698-51534018	2.4068	2.49164	0.0499844	0.984602
XLOC_007951	NOMO1	chr16:14927642-14990014	13.6474	14.1292	0.0500561	0.96166
XLOC_020362	RAC1	chr7:6414125-6443598	123.016	127.36	0.0500634	0.960786
XLOC_002638	ABCC2	chr10:101542462-101611662	0.140159	0.145114	0.0501206	1
XLOC_009212	BCAS3	chr17:58755171-59470199	2.63629	2.72954	0.0501486	0.970533
XLOC_001982	OLFML2B	chr1:161952981-161993644	0.433474	0.448837	0.0502447	0.981543
XLOC_014581	XPNPEP3	chr22:41253084-41328823	4.76642	4.9354	0.0502595	0.974573
XLOC_009307	SEC14L1	chr17:75084724-75213181	14.5683	15.0849	0.0502714	0.967343
XLOC_000564	ATXN7L2	chr1:110026560-110035420	8.32816	8.6242	0.0503929	0.967343
XLOC_013108	FLJ42351	chr2:113399406-113401757	0.78533	0.813304	0.050496	0.991219
XLOC_014923	ARL8B	chr3:5163929-5222601	20.4265	21.1551	0.0505581	0.960032
XLOC_012932	XPO1	chr2:61705068-61765418	26.5966	27.5459	0.0505969	0.961218
XLOC_004243	PRPF19	chr11:60658019-60674061	83.6507	86.6399	0.0506544	0.960032
XLOC_022251	ZNF34	chr8:145998500-146012725	1.74404	1.80638	0.050671	0.977857
XLOC_001431	AK2	chr1:33473540-33502512	71.8751	74.4536	0.0508511	0.961105
XLOC_011705	ERF	chr19:42751716-42759309	27.2606	28.2393	0.0508862	0.962023
XLOC_018922	MCM3	chr6:52128811-52149679	24.59	25.4733	0.0509147	0.960032
XLOC_003875	SC5DL	chr11:121163387-121184119	2.5563	2.64832	0.0510186	0.964843

XLOC_006718	HOMEZ	chr14:23742843-23755309	2.66706	2.76311	0.0510386	0.969848
XLOC_009427	ZNF232	chr17:5009030-5026397	10.0664	10.429	0.0510534	0.964843
XLOC_007535	LRRC57	chr15:42834719-42841002	3.80087	3.93782	0.0510672	0.968416
XLOC_009542	TBC1D28	chr17:18538841-18547740	0.0300548	0.0311378	0.0510723	1
XLOC_001308	ATP13A2	chr1:17312452-17338423	19.7755	20.4886	0.0511022	0.960683
XLOC_005154	BCL7A	chr12:122459860-122499950	8.15774	8.4523	0.0511749	0.964843
XLOC_003094	BLOC1S2	chr10:102033034-102046469	15.9386	16.5141	0.051175	0.960529
XLOC_009586	PHF12	chr17:27232270-27278508	3.72754	3.86216	0.0511832	0.967343
XLOC_011290	MOB3A	chr19:2071034-2096269	8.19053	8.48646	0.0512045	0.965152
XLOC_021227	PLOD3	chr7:100849257-100867471	47.1662	48.8753	0.051352	0.97565
XLOC_006706	DAD1	chr14:23033806-23058143	217.177	225.049	0.0513703	0.95904
XLOC_011268	MED16	chr19:867961-893218	25.2915	26.2093	0.0514249	0.960786
XLOC_002062	GLUL	chr1:182350838-182361341	21.6801	22.467	0.0514373	0.961218
XLOC_001761	LOC728875	chr1:144480745-144521969	0.135823	0.140759	0.0514935	1
XLOC_005675	PRDM4	chr12:108126642-108154914	10.0669	10.4329	0.0515135	0.96133
XLOC_001080	PSEN2	chr1:227058272-227083804	6.95593	7.20949	0.0516531	0.967343
XLOC_003402	FJX1	chr11:35639734-35642421	29.492	30.5685	0.051724	0.961319
XLOC_011550	SUGP1	chr19:19387321-19431321	16.3452	16.9423	0.0517657	0.961401
XLOC_005429	MLL2	chr12:49412757-49449107	1.81585	1.88226	0.0518166	0.961236
XLOC_006135	INTS6	chr13:51915167-52027275	1.76624	1.83088	0.0518525	0.971768
XLOC_006637	TRAF3	chr14:103243815-103377837	4.22548	4.38027	0.0519028	0.962526
XLOC_018550	PCMT1	chr6:150070830-150132557	51.3367	53.2201	0.0519797	0.961649
XLOC_002879	NRP1	chr10:33466418-33623833	0.92465	0.95859	0.0520063	0.977857
XLOC_021323	PODXL	chr7:131185020-131241376	26.9983	27.9897	0.0520267	0.959358
XLOC_008567	BRD7	chr16:50352928-50402845	26.1837	27.1457	0.0520571	0.95935
XLOC_009270	SLC9A3R1	chr17:72744750-72765499	48.8483	50.6474	0.052179	0.971314
XLOC_023916	PDZD11	chrX:69506210-69509798	18.3288	19.0045	0.052227	0.96298
XLOC_023436	LOC550643	chrX:56755717-56844004	88.546	91.8121	0.0522576	0.960032
XLOC_002330	FBXO18	chr10:5903688-5979558	19.2529	19.9663	0.0524892	0.966442
XLOC_003645	BBS1	chr11:66278118-66301084	4.02826	4.17757	0.0525069	0.967226
XLOC_022466	TDRD7	chr9:100174301-100258405	5.18972	5.38243	0.052601	0.96263
XLOC_004519	C11orf92	chr11:111164113-111179460	0.0854349	0.0886102	0.0526475	1
XLOC_004245	VPS37C	chr11:60897727-60928916	12.4319	12.8947	0.0527291	0.961459
XLOC_015303	UMPS	chr3:124449212-124468119	5.21564	5.41003	0.052791	0.960032
XLOC_003666	NDUFV1	chr11:67374322-67380012	173.042	179.497	0.0528323	0.960032
XLOC_021773	LY6E	chr8:144099901-144103827	424.236	440.1	0.0529621	0.958887
XLOC_009649	C17orf96	chr17:36827958-36831187	23.2608	24.1329	0.0531032	0.958285
XLOC_008560	ITFG1	chr16:47189297-47495015	9.77201	10.1385	0.0531191	0.962865
XLOC_023559	TMEM164	chrX:109245862-109421016	2.27039	2.35556	0.053128	0.967343
XLOC_009160	PDK2	chr17:48172100-48207246	17.8509	18.5217	0.0532146	0.962865
XLOC_020535	LOC100093631	chr7:72569011-72621336	0.413827	0.429384	0.0532401	0.979338
XLOC_016031	CCNL1	chr3:156865585-156878482	21.5058	22.3153	0.0533096	0.959513
XLOC_013628	ROMO1	chr20:34256609-34288902	426.132	442.186	0.0533517	0.965989
XLOC_004376	ORAOV1	chr11:69480331-69490165	6.37737	6.61766	0.05336	0.966442
XLOC_012182	ACYP2	chr2:54342409-54532435	3.45802	3.58851	0.0534409	0.975252
XLOC_007910	ZNF263	chr16:3333486-3341459	11.529	11.9652	0.0535705	0.960032
XLOC_013552	RIN2	chr20:19867164-19983103	0.0231709	0.0240475	0.0535706	1
XLOC_010959	CALM3	chr19:47104511-47114039	78.6703	81.6481	0.0535999	0.957531
XLOC_015537	SENP5	chr3:196594726-196661584	3.69462	3.83452	0.0536178	0.96074

XLOC_007560	SHF	chr15:45459411-45493373	5.19408	5.39079	0.0536268	0.967296
XLOC_012563	MFSD6	chr2:191273080-191367041	1.65535	1.71814	0.053711	0.967866
XLOC_003724	C11orf30	chr11:76156068-76262589	0.676134	0.701892	0.0539412	0.975454
XLOC_005541	STAT6	chr12:57482676-57505196	32.8662	34.1231	0.0541453	0.967343
XLOC_003156	FAM204A	chr10:120068571-120101839	11.3081	11.741	0.0542042	0.960217
XLOC_020864	AGAP3	chr7:150783825-150841523	38.1642	39.6256	0.0542139	0.961218
XLOC_018994	UBE2J1	chr6:90036343-90062619	10.5302	10.9336	0.0542383	0.958994
XLOC_001114	COA6	chr1:234509213-234519795	65.9631	68.495	0.0543396	0.95904
XLOC_018406	ORC3	chr6:88299784-88377172	8.94366	9.2874	0.0544102	0.960032
XLOC_006450	DLST	chr14:75348593-75370450	45.7587	47.5183	0.0544371	0.956644
XLOC_021873	FAM86B1	chr8:12039612-12051624	5.07807	5.27362	0.054515	0.967296
XLOC_009843	COL1A1	chr17:48261456-48279000	0.0506103	0.0525623	0.0545961	1
XLOC_017320	HSPA4	chr5:132387661-132440709	42.7038	44.3514	0.0546137	0.95594
XLOC_018744	MDC1	chr6:30667583-30685458	4.11302	4.27178	0.0546372	0.960274
XLOC_021027	PSMA2	chr7:42956461-42971805	95.8186	99.5173	0.0546415	0.955641
XLOC_011467	GADD45GIP1	chr19:13064969-13068068	208.318	216.367	0.0546875	0.958829
XLOC_018849	BTBD9	chr6:38136226-38607924	1.43684	1.49236	0.0546985	0.96715
XLOC_016782	GRSF1	chr4:71681498-71705627	23.6514	24.5662	0.0547505	0.957719
XLOC_017329	TXNDC15	chr5:134209459-134237323	8.30051	8.62169	0.0547715	0.958829
XLOC_017342	FAM53C	chr5:137673223-137685418	15.3338	15.9291	0.0549494	0.956177
XLOC_022377	LOC100132352	chr9:68726540-68748372	4.83776	5.02591	0.0550445	0.970533
XLOC_007506	SRP14	chr15:40327890-40331389	209.657	217.814	0.0550653	0.956477
XLOC_021004	RP9P	chr7:32956426-32982782	8.38448	8.71076	0.055077	0.96691
XLOC_014621	ATXN10	chr22:46067677-46241187	22.8752	23.7655	0.0550871	0.956728
XLOC_016620	ATP5I	chr4:666224-668127	706.946	734.512	0.0551862	0.956177
XLOC_010431	PTBP1	chr19:797391-812327	137.667	143.036	0.0551981	0.956393
XLOC_017846	PROB1	chr5:138727634-138730885	0.607931	0.631654	0.0552271	0.981602
XLOC_018941	RAB23	chr6:57053581-57087078	1.94802	2.0241	0.0552744	0.969826
XLOC_017561	MRPL36	chr5:1798498-1799956	106.293	110.449	0.0553344	0.956644
XLOC_011754	ERCC1	chr19:45882891-45927177	228.955	237.916	0.0553897	0.961218
XLOC_008932	TNFAIP1	chr17:26662547-26684603	11.7058	12.1643	0.0554364	0.981441
XLOC_016713	UGDH	chr4:39500374-39529218	6.91599	7.1871	0.0554725	0.959927
XLOC_005644	TMPO-AS1	chr12:98906750-98944157	1.05643	1.09787	0.0555034	0.994116
XLOC_003937	SIGIRR	chr11:405715-417397	43.7299	45.4502	0.0556659	0.956261
XLOC_000181	PNRC2	chr1:24286300-24289949	39.8287	41.3961	0.055686	0.954501
XLOC_017668	PDE4D	chr5:58264865-59843484	2.41432	2.50949	0.0557796	0.960032
XLOC_020633	LOC100289187	chr7:99195901-99208456	0.86745	0.901675	0.0558269	0.981602
XLOC_004077	GALNT18	chr11:11292420-11643561	33.1933	34.5033	0.0558433	0.954535
XLOC_015873	C3orf17	chr3:112721291-112738555	8.92955	9.28212	0.0558676	0.954765
XLOC_022668	TMEM141	chr9:139685776-139687769	148.074	153.926	0.0559236	0.954397
XLOC_000042	TPRG1L	chr1:3541555-3546694	18.6485	19.3856	0.0559254	0.954981
XLOC_014539	MPST	chr22:37406899-37425863	147.35	153.175	0.0559404	0.967226
XLOC_012533	MTX2	chr2:177134122-177202753	36.097	37.5246	0.0559582	0.953524
XLOC_013717	PTPN1	chr20:49126890-49201086	22.5832	23.477	0.0559942	0.953219
XLOC_021939	DUSP4	chr8:29190578-29208267	0.510867	0.531098	0.0560292	0.975542
XLOC_000170	EPHB2	chr1:23037330-23241823	8.37119	8.70314	0.0561045	0.955952
XLOC_008152	CCDC113	chr16:58283839-58328951	1.65559	1.72125	0.0561143	0.967226
XLOC_013475	ZCCHC3	chr20:278203-280963	13.927	14.4795	0.0561274	0.957719
XLOC_001516	PRDX1	chr1:45965855-45988562	499.778	519.655	0.0562648	0.955713

XLOC_013924	COMMD7	chr20:31290492-31331814	28.2633	29.3875	0.056274	0.95395
XLOC_015283	GTF2E1	chr3:120461557-120501916	4.52737	4.70789	0.0564079	0.96369
XLOC_008670	ZFH3	chr16:72816785-73092534	1.05131	1.0933	0.0564966	0.963969
XLOC_016643	LRPAP1	chr4:3505323-3534224	15.4731	16.0913	0.0565246	0.954143
XLOC_015458	ACTL6A	chr3:179280707-179306193	28.6232	29.769	0.056626	0.954535
XLOC_019126	SF3B5	chr6:144416017-144416754	274.839	285.847	0.0566541	0.95395
XLOC_011418	TYK2	chr19:10461203-10491248	18.2496	18.9834	0.0568738	0.955124
XLOC_005164	ARL6IP4	chr12:123464879-123467460	196.057	203.975	0.0571194	0.954143
XLOC_016920	BBS7	chr4:122745483-122791652	2.66476	2.77267	0.0572693	0.9634
XLOC_015952	MRPL3	chr3:131181044-131221860	53.3352	55.4964	0.0573059	0.953866
XLOC_019185	RPS6KA2	chr6:166822853-167275771	0.240396	0.250139	0.0573143	1
XLOC_003732	AAMDC	chr11:77532207-77583398	23.4329	24.3834	0.0573653	0.965252
XLOC_014980	SGOL1-AS1	chr3:20202084-20227919	1.4091	1.46628	0.0573855	0.994204
XLOC_016510	NAA15	chr4:140211070-140311935	7.87171	8.19135	0.057424	0.974108
XLOC_004138	LMO2	chr11:33880122-33913836	2.32371	2.41811	0.0574495	0.974073
XLOC_023000	EPB41L4B	chr9:111934253-112083021	6.066	6.31255	0.057478	0.957719
XLOC_005794	GOLGA3	chr12:133345494-133405426	5.62161	5.85033	0.0575348	0.953159
XLOC_003204	ADAM8	chr10:135075919-135090407	0.782892	0.814747	0.0575388	0.97717
XLOC_017805	ZCCHC10	chr5:132332677-132362240	3.55896	3.70385	0.0575698	0.967226
XLOC_004168	PACSIN3	chr11:47199072-47208010	39.1884	40.7861	0.0576526	0.952942
XLOC_017835	BRD8	chr5:137475458-137514358	11.3225	11.785	0.0577522	0.95395
XLOC_002393	MASTL	chr10:27443752-27475848	5.28284	5.49868	0.0577725	0.957719
XLOC_003774	KDM4D	chr11:94706844-94732676	0.375962	0.391354	0.0578875	0.979338
XLOC_000691	PSMD4	chr1:151227196-151239954	164.364	171.098	0.0579268	0.95395
XLOC_021205	TAF6	chr7:99690403-99723128	39.0536	40.6536	0.0579286	0.985956
XLOC_003414	ALKBH3	chr11:43902356-43942494	19.704	20.5127	0.0580284	0.955641
XLOC_014565	APOBEC3F	chr22:39436672-39451975	2.8958	3.01496	0.0581774	0.977897
XLOC_015298	PDIA5	chr3:122785855-122880953	9.09732	9.47171	0.0581823	0.961459
XLOC_000285	MAP7D1	chr1:36621802-36646441	36.5016	38.004	0.0581917	0.952674
XLOC_006372	NAA30	chr14:57857270-57879466	3.74272	3.8968	0.0582032	0.959172
XLOC_004351	POLD4	chr11:67085309-67159158	25.6939	26.7526	0.0582522	0.961218
XLOC_012337	MAP4K4	chr2:102314164-102511152	7.72719	8.04588	0.0583054	0.954501
XLOC_003672	PPP6R3	chr11:68228185-68382801	11.2093	11.6717	0.0583267	0.952294
XLOC_016755	NOA1	chr4:57829515-57843826	37.2878	38.8268	0.0583481	0.95448
XLOC_005783	SLC15A4	chr12:129277738-129308541	9.56235	9.95757	0.0584291	0.957728
XLOC_012129	BIRC6	chr2:32582095-32843965	1.82626	1.90179	0.058469	0.954501
XLOC_022248	C8orf82,LRRC24	chr8:145743348-145754458	79.7153	83.0147	0.0585099	0.966442
XLOC_011708	LIPE	chr19:42901299-43156507	2.68399	2.79535	0.0586501	0.967343
XLOC_011297	LSM7	chr19:2321519-2328614	246.505	256.736	0.0586682	0.952184
XLOC_012818	PFN4	chr2:24338243-24346151	0.301757	0.31431	0.0587993	1
XLOC_004349	SPTBN2	chr11:66452719-66488870	12.8161	13.3493	0.05881	0.952184
XLOC_013362	ZNF142	chr2:219502639-219524355	2.67758	2.78906	0.0588488	0.961143
XLOC_001316	UBR4	chr1:19400999-19536746	5.52224	5.75268	0.0589792	0.952355
XLOC_012557	WDR75	chr2:190306158-190340264	10.2463	10.6739	0.0589902	0.953195
XLOC_010437	CFD	chr19:859664-863610	22.6784	23.6252	0.0590082	0.962865
XLOC_000163	LINC00339	chr1:22351706-22357715	11.0759	11.5384	0.0590263	0.964843
XLOC_023003	TXN	chr9:113006091-113018920	805.691	839.401	0.059134	0.954035
XLOC_020844	ZNF862	chr7:149535508-149564568	1.39439	1.45278	0.0591805	0.964843
XLOC_000122	PLEKHM2	chr1:16010826-16061264	32.5243	33.8864	0.0591888	0.951854

XLOC_004344	MRPL11	chr11:66202549-66206310	42.0828	43.8456	0.0592024	0.952184
XLOC_002320	PITRM1-AS1	chr10:3179918-3215033	0.372999	0.388645	0.0592808	0.991167
XLOC_007837	FAM173A	chr16:771141-776473	71.8336	74.847	0.0592858	0.96256
XLOC_005989	CARKD	chr13:111267806-111292342	22.0829	23.0107	0.059377	0.952784
XLOC_006156	KLF12	chr13:74260148-74708066	0.348345	0.363	0.0594542	1
XLOC_000239	EPB41	chr1:29213602-29450421	3.68187	3.83685	0.0594824	0.965296
XLOC_003441	NR1H3	chr11:47260852-47290584	3.56009	3.70996	0.0594895	0.982903
XLOC_001424	BSDC1	chr1:32830704-32860062	17.9213	18.6772	0.0595965	0.952184
XLOC_021508	RHOBTB2	chr8:22844929-22941132	3.82423	3.98557	0.0596157	0.987173
XLOC_000063	PARK7	chr1:8021713-8045342	326.33	340.11	0.0596703	0.952184
XLOC_012056	LPIN1	chr2:11817704-11967533	7.43685	7.75157	0.0597969	0.952184
XLOC_014577	TNRC6B	chr22:40440820-40731812	1.21433	1.26581	0.0599025	0.955041
XLOC_000824	NDUFS2	chr1:161169104-161184184	56.7169	59.1235	0.0599546	0.952184
XLOC_013557	XRN2	chr20:21283941-21370463	22.4207	23.3723	0.0599705	0.952184
XLOC_014474	KIAA1671	chr22:25423940-25593415	1.88165	1.96159	0.0600256	0.957739
XLOC_009521	FAM211A	chr17:16342300-16395505	2.67773	2.7916	0.0600807	0.995202
XLOC_017708	TBCA	chr5:76986994-77072185	301.722	314.553	0.0600844	0.952184
XLOC_004958	USP15	chr12:62654120-62803501	4.0614	4.23453	0.0602242	0.96684
XLOC_001799	APH1A	chr1:150237798-150241609	110.334	115.043	0.0603001	0.952163
XLOC_021762	CHRA1	chr8:141521396-141527252	29.3206	30.5725	0.0603226	0.952184
XLOC_008264	USP10	chr16:84733554-84813527	26.5708	27.7073	0.0604238	0.952184
XLOC_018340	CENPQ	chr6:49431095-49460820	5.8593	6.11	0.060444	0.960217
XLOC_020598	CLDN12	chr7:90032647-90045268	13.0994	13.6599	0.0604442	0.952184
XLOC_015025	EXOG	chr3:38537762-38567796	3.28923	3.43003	0.0604716	0.96347
XLOC_013572	LOC100134868	chr20:25990434-26002430	0.602708	0.628517	0.0604927	0.981141
XLOC_005407	HDAC7	chr12:48166966-48213763	18.1978	18.9776	0.0605299	0.95904
XLOC_018247	ITPR3	chr6:33589155-33664348	51.8093	54.0298	0.0605455	0.951854
XLOC_006331	GEMIN2	chr14:39583487-39606177	8.34906	8.70697	0.0605568	0.960529
XLOC_014260	RWDD2B	chr21:30378079-30391685	9.94809	10.3747	0.0605839	0.958285
XLOC_006224	LINC00346	chr13:111516333-111522655	1.8108	1.88848	0.0605989	0.960032
XLOC_007169	SNAP23	chr15:42787503-42825259	24.8693	25.9365	0.0606166	0.951272
XLOC_008046	PPP4C	chr16:30087383-30096695	146.219	152.497	0.0606452	0.952184
XLOC_009747	PSMC3IP	chr17:40719077-40729849	20.857	21.7528	0.0606718	0.97565
XLOC_011681	SERTAD1	chr19:40928408-40931932	83.2994	86.8832	0.0607713	0.952184
XLOC_019163	SOD2	chr6:160100148-160114353	29.8491	31.1344	0.0608204	0.955124
XLOC_005379	PKP2	chr12:32943679-33049780	2.97557	3.10376	0.0608471	0.960032
XLOC_016403	FGF5	chr4:81187741-81212171	0.887756	0.926001	0.0608521	0.967318
XLOC_008354	NTHL1	chr16:2089815-2097867	34.2931	35.7712	0.0608776	0.954899
XLOC_007512	MRPL42P5	chr15:40824082-40824749	0.699368	0.729561	0.0609769	0.983243
XLOC_001209	SLC35E2B	chr1:1571099-1655791	6.37283	6.64797	0.0609801	0.969282
XLOC_010725	ZNF714	chr19:21264952-21307883	0.480196	0.500933	0.0609956	0.967458
XLOC_008334	C16orf91	chr16:1469744-1470801	30.3397	31.6502	0.0610103	0.956644
XLOC_017616	NUP155	chr5:37291940-37371197	5.62361	5.86669	0.0610493	0.954143
XLOC_017234	NR2F1	chr5:92919042-93447404	4.16023	4.34107	0.0613899	0.975928
XLOC_013016	TMEM150A	chr2:85825669-85829822	12.0787	12.6038	0.0614041	0.958829
XLOC_022997	TMEM245	chr9:111777414-111882225	5.90475	6.16174	0.0614638	0.952184
XLOC_012573	MARS2	chr2:198570027-198573114	7.74274	8.07993	0.0614984	0.95395
XLOC_001807	CERS2	chr1:150937648-150947479	76.2323	79.5522	0.0615004	0.948369
XLOC_020524	TMEM248	chr7:66386202-66423538	16.6692	17.3952	0.0615041	0.950176

XLOC_014402	USP18	chr22:18632757-18660162	2.99315	3.12354	0.0615147	0.967296
XLOC_008333	UNKL	chr16:1401899-1464705	4.3161	4.50414	0.0615229	0.978818
XLOC_000227	XKR8	chr1:28286503-28294604	10.3707	10.8226	0.0615322	0.960032
XLOC_021467	GATA4	chr8:11561716-11617509	7.40677	7.72994	0.0616136	0.957728
XLOC_017909	ATOX1	chr5:151122382-151138210	118.503	123.675	0.0616279	0.952184
XLOC_015477	ABCF3	chr3:183903862-183911795	20.2477	21.1314	0.0616344	0.952163
XLOC_012502	SSB	chr2:170655321-170681353	50.5147	52.7202	0.0616535	0.961218
XLOC_015877	NAA50	chr3:113435306-113465120	17.0683	17.8139	0.0616848	0.950787
XLOC_003805	FDX1	chr11:110300660-110335608	7.77492	8.11485	0.0617369	0.952978
XLOC_011814	MAMSTR	chr19:49216254-49222976	1.1569	1.20751	0.0617664	0.978031
XLOC_017657	CCNO	chr5:54526980-54529508	18.2061	19.0029	0.0617923	0.960032
XLOC_005912	SUGT1	chr13:53226830-53262433	27.1172	28.3041	0.0618007	0.952184
XLOC_010419	PARD6G	chr18:77905806-78005397	2.62225	2.73735	0.0619755	0.963969
XLOC_007922	MGRN1	chr16:4674824-4740975	18.0599	18.853	0.0620002	0.950837
XLOC_015228	TFG	chr3:100428133-100467811	56.9461	59.4475	0.0620173	0.950862
XLOC_003776	SRSF8	chr11:94800055-94804388	7.0632	7.37354	0.0620348	0.952184
XLOC_023534	TCEAL4	chrX:102840418-102842655	49.4416	51.6237	0.0623068	0.948786
XLOC_020741	ATP6V1F	chr7:128502856-128505903	625.44	653.044	0.06231	0.950251
XLOC_021755	EFR3A	chr8:132916355-133025886	4.92437	5.14218	0.062439	0.952674
XLOC_014517	DEPDC5	chr22:32149936-32303020	1.32118	1.37962	0.0624495	0.964843
XLOC_003582	FERMT3	chr11:63974151-63993726	0.384802	0.401826	0.0624544	0.994058
XLOC_001062	MARC1	chr1:220960038-220987741	8.4554	8.83011	0.0625578	0.957728
XLOC_005160	DENR	chr12:123237370-123255953	22.007	22.9827	0.0625851	0.949188
XLOC_015676	SETD2	chr3:47057897-47205467	2.47441	2.58414	0.0625989	0.952184
XLOC_017001	HMGB2	chr4:174252526-174255595	181.964	190.034	0.0626025	0.950637
XLOC_011254	MGC2752	chr19:59086765-59095762	11.3891	11.8942	0.0626035	0.952795
XLOC_002835	CUBN	chr10:16865964-17171816	0.880324	0.919369	0.0626105	0.958143
XLOC_022939	IPPK	chr9:95059639-95432547	6.91472	7.22192	0.0627127	0.971314
XLOC_015915	HEG1	chr3:124684553-124774802	2.14227	2.23748	0.0627295	0.953195
XLOC_005544	R3HDM2	chr12:57647547-57704246	7.43226	7.76255	0.0627304	0.952184
XLOC_000070	TMEM201	chr1:9648931-9674935	8.56354	8.94462	0.0628135	0.953159
XLOC_010217	MALT1	chr18:56338617-56417370	4.56153	4.76528	0.0630424	0.952184
XLOC_007406	FURIN	chr15:91411884-91426687	20.1033	21.0026	0.0631366	0.94824
XLOC_006985	BAG5	chr14:104022880-104029151	5.55694	5.80651	0.0633795	0.951036
XLOC_013301	TYW5	chr2:200793633-200828847	1.57887	1.64984	0.0634342	0.977897
XLOC_020934	NDUFA4	chr7:10971579-10979813	70.4131	73.5786	0.0634427	0.948369
XLOC_021544	MAK16	chr8:33342684-33370703	8.02636	8.38733	0.0634669	0.958829
XLOC_008212	DDX19A	chr16:70380823-70407281	12.2158	12.7661	0.0635669	0.949739
XLOC_008872	ADORA2B	chr17:15848230-15879210	33.8386	35.3632	0.0635817	0.948761
XLOC_001344	LUZP1	chr1:23410515-23495351	3.53185	3.69101	0.0635914	0.950064
XLOC_017719	DHFR	chr5:79922044-80172634	11.6928	12.2201	0.0636341	0.970533
XLOC_008164	CES2	chr16:66968346-66978994	8.86439	9.26416	0.063639	0.952184
XLOC_008227	DHX38	chr16:72118755-72146811	12.9321	13.5154	0.0636423	0.962687
XLOC_024228	PCDH11Y	chrY:4868266-5610264	0.0243983	0.0254993	0.0636732	1
XLOC_015326	C3orf37	chr3:128997683-129024135	36.6835	38.3392	0.0636915	0.948523
XLOC_023257	HCCS	chrX:11129405-11141204	10.8419	11.3314	0.0637127	0.952184
XLOC_021234	POLR2J	chr7:102105389-102119381	108.508	113.408	0.063713	0.965307
XLOC_011191	ZNF865	chr19:56124958-56129907	7.99778	8.3592	0.0637666	0.952307
XLOC_020356	ZNF815P	chr7:5862790-5894066	0.570872	0.59668	0.0637913	0.975492

XLOC_021086	GUSB	chr7:65425672-65447301	24.7619	25.8823	0.0638453	0.948152
XLOC_005400	SLC38A2	chr12:46751970-46766645	33.3298	34.838	0.0638497	0.950064
XLOC_007693	COX5A	chr15:75212616-75230495	337.39	352.677	0.0639309	0.947642
XLOC_001461	EPHA10	chr1:38181645-38230824	0.859213	0.89815	0.0639394	0.970185
XLOC_022339	NPR2	chr9:35792405-35812259	1.93936	2.02732	0.0639926	0.96513
XLOC_002201	SUSD4	chr1:223394160-223537544	0.493445	0.515861	0.0640925	0.981543
XLOC_012894	LRPPRC	chr2:44113362-44223144	30.1325	31.5022	0.0641354	0.948368
XLOC_002362	STAM	chr10:17686123-17758821	6.61242	6.91324	0.0641836	0.951223
XLOC_013949	SCAND1	chr20:34541538-34543281	150.391	157.239	0.0642419	0.950064
XLOC_014410	GP1BB,SEPT5	chr22:19701986-19712297	8.3674	8.74857	0.064269	0.973233
XLOC_023889	PFKFB1	chrX:54959566-55024967	0.162008	0.169388	0.0642714	1
XLOC_022522	ATP6V1G1	chr9:117349993-117361152	107.124	112.013	0.0643825	0.946416
XLOC_021068	VOPP1	chr7:55538305-55640200	21.3181	22.2915	0.0644143	0.945887
XLOC_012484	PSMD14	chr2:162164785-162268228	86.3874	90.3328	0.064429	0.94749
XLOC_021030	MRPS24,URGCP	chr7:43906156-43965996	306.252	320.274	0.0645874	0.952184
XLOC_012840	MPV17	chr2:27532359-27545969	42.7718	44.731	0.0646153	0.950837
XLOC_014970	EAF1	chr3:15469063-15484120	5.08592	5.31908	0.0646693	0.950837
XLOC_009200	SMG8	chr17:57287370-57292611	6.45311	6.74908	0.0646963	0.952184
XLOC_006950	IFI27L2	chr14:94594117-94595957	194.493	203.416	0.0647143	0.948811
XLOC_011039	AP2A1	chr19:50270179-50316567	26.3619	27.5727	0.0647857	0.948686
XLOC_007405	BLM	chr15:91260578-91358686	1.90468	1.99217	0.064797	0.960032
XLOC_011283	ATP8B3	chr19:1782073-1812275	0.337048	0.352532	0.0647994	1
XLOC_008409	TMEM186	chr16:8889036-8891505	13.1803	13.7862	0.064839	0.953159
XLOC_018895	NFKBIE	chr6:44225902-44233525	10.472	10.9546	0.0649965	0.952163
XLOC_021791	CYC1	chr8:145149959-145152428	230.914	241.555	0.0649992	0.94687
XLOC_003029	GLUD1	chr10:88809958-88854776	39.3895	41.2058	0.0650346	0.945688
XLOC_000689	SCNM1,TNFAIP8l	chr1:151129104-151148547	10.9332	11.4375	0.0650523	0.954501
XLOC_004734	LOH12CR1	chr12:12510019-12619838	4.11136	4.30113	0.0651024	0.962045
XLOC_023788	RPS6KA3	chrX:20168028-20284750	3.28931	3.44119	0.0651198	0.949926
XLOC_005385	GXYLT1	chr12:42475647-42538673	1.4964	1.56566	0.0652739	0.953159
XLOC_010847	SAMD4B	chr19:39833107-39875537	10.6161	11.1076	0.0652865	0.946375
XLOC_008953	TP53I13	chr17:27895738-27900175	54.0176	56.5196	0.065322	0.946375
XLOC_001972	DEDD	chr1:161070345-161102478	19.1946	20.0838	0.0653318	0.981543
XLOC_000008	PLEKHN1	chr1:901876-910484	2.01597	2.1094	0.0653578	0.971663
XLOC_003816	DIXDC1	chr11:111797867-111893307	0.780526	0.816704	0.0653666	0.96692
XLOC_008555	VPS35	chr16:46693588-46723144	15.2617	15.9691	0.0653685	0.945989
XLOC_017164	MRPS36	chr5:68513572-68525985	20.3267	21.2698	0.0654288	0.951036
XLOC_004348	RBM4B	chr11:66384052-66445275	9.42338	9.86071	0.0654476	0.986782
XLOC_010677	GTPBP3	chr19:17445790-17453540	20.8406	21.8086	0.0655036	0.948523
XLOC_021717	EBAG9	chr8:110551928-110577391	17.3956	18.2041	0.0655357	0.950252
XLOC_012815	C2orf44	chr2:24252205-24270296	3.02017	3.16065	0.0655909	0.95448
XLOC_013835	C20orf27	chr20:3734145-3749035	127.923	133.878	0.065644	0.944295
XLOC_016201	MAN2B2	chr4:6576901-6624188	10.1134	10.5843	0.0656569	0.948152
XLOC_004938	NXPH4	chr12:57610577-57620232	38.5247	40.3198	0.0657064	0.950837
XLOC_021706	FZD6	chr8:104310660-104345094	8.75956	9.16806	0.0657579	0.950001
XLOC_002933	PARG	chr10:51026324-51371331	3.81855	3.99715	0.0659442	0.959799
XLOC_009782	EFTUD2	chr17:42923720-42976993	37.1684	38.9069	0.065951	0.945011
XLOC_008359	CASKIN1	chr16:2205798-2246465	11.209	11.7343	0.0660844	0.975492
XLOC_015772	SELK	chr3:53919225-53925989	52.9455	55.4273	0.0660895	0.946416

XLOC_004564	DDX6	chr11:118618472-118661972	11.6388	12.1845	0.0661025	0.945399
XLOC_005089	UBE3B	chr12:109915427-109974510	6.02814	6.31082	0.0661145	0.958829
XLOC_003743	C11orf73	chr11:86013252-86056985	29.4223	30.8026	0.0661403	0.950837
XLOC_003040	LIPA	chr10:90973325-91011660	11.3542	11.887	0.0661485	0.947962
XLOC_005518	SMARCC2	chr12:56555635-56583351	14.7011	15.3911	0.066172	0.945689
XLOC_016663	ABLIM2	chr4:7967036-8160559	0.400938	0.419767	0.06621	0.977897
XLOC_008978	ZNF207	chr17:30677127-30697468	48.1613	50.4237	0.0662267	0.944479
XLOC_003628	MUS81	chr11:65627871-65640405	26.7957	28.0553	0.0662716	0.950837
XLOC_020920	RSPH10B	chr7:5965776-6010314	0.02474	0.0259048	0.0663747	1
XLOC_014452	BCR	chr22:23522551-23660224	9.03141	9.45676	0.066395	0.945399
XLOC_016333	POLR2B	chr4:57845108-58071465	23.1915	24.2839	0.0664029	0.944779
XLOC_014445	LOC96610	chr22:22652462-22677324	2.42345	2.53782	0.0665271	0.964843
XLOC_018883	MRPL2	chr6:43021766-43027242	44.1531	46.24	0.066625	0.946375
XLOC_015715	RHOA	chr3:49396578-49449526	267.46	280.105	0.0666448	0.945399
XLOC_010564	UBL5	chr19:9938555-9940797	520.073	544.698	0.0667439	0.944779
XLOC_008834	KDM6B	chr17:7743234-7758118	6.3972	6.70039	0.0668052	0.948987
XLOC_017123	MRPS30	chr5:44809026-44815618	41.146	43.0976	0.0668556	0.945416
XLOC_007220	MAPK6	chr15:52311410-52358462	7.94584	8.32313	0.0669278	0.946235
XLOC_007537	TTBK2	chr15:43036541-43213007	0.367482	0.384956	0.0670184	0.971768
XLOC_003870	TMEM136	chr11:120195837-120204388	5.01623	5.25482	0.0670384	0.952184
XLOC_002420	ZNF485	chr10:44101854-44113352	3.47799	3.64348	0.0670621	0.961132
XLOC_003495	CLP1	chr11:57425215-57429337	11.5093	12.0572	0.0670944	0.950252
XLOC_001636	SEP15	chr1:87328127-87380107	53.7083	56.2653	0.0671022	0.942879
XLOC_021477	C8orf48	chr8:13424351-13425797	2.17542	2.27908	0.0671618	0.967458
XLOC_009065	CNP	chr17:40118758-40190044	19.5413	20.4739	0.0672588	0.965534
XLOC_002878	ITGB1	chr10:33189245-33247293	318.552	333.764	0.0673013	0.949676
XLOC_015419	RSRC1	chr3:157827840-158262624	3.51117	3.67888	0.0673129	0.96074
XLOC_007926	UBN1	chr16:4897911-4932363	4.85228	5.08417	0.0673496	0.947808
XLOC_007472	NDNL2	chr15:29412454-29862927	16.0267	16.7928	0.0673647	0.948152
XLOC_016843	PYURF	chr4:89442128-89444952	62.2861	65.2656	0.0674108	0.944934
XLOC_017731	TMEM161B	chr5:87491022-87564665	4.45412	4.6676	0.0675388	0.954143
XLOC_005899	DLEU1	chr13:50556687-50699677	7.21606	7.56212	0.0675797	0.978818
XLOC_009205	CLTC	chr17:57697049-57774317	22.7707	23.8632	0.0676091	0.944295
XLOC_020926	KDELR2	chr7:6500711-6523849	54.0072	56.5984	0.0676116	0.940466
XLOC_022767	TUSC1	chr9:25676386-25678856	10.0113	10.4917	0.0676254	0.952233
XLOC_011547	NR2C2AP	chr19:19256375-19314238	43.1132	45.1827	0.0676392	0.967296
XLOC_011543	HOMER3	chr19:19040009-19052041	87.5864	91.7947	0.0677041	0.945336
XLOC_021187	SMURF1	chr7:98625057-98741743	6.37419	6.68055	0.067726	0.947261
XLOC_021719	UTP23	chr8:117778741-117786921	7.52544	7.88786	0.0678571	0.946021
XLOC_016688	DCAF16	chr4:17802277-17812381	9.10932	9.5485	0.0679308	0.944479
XLOC_021590	MRPL15	chr8:55047780-55061074	62.0657	65.0581	0.0679341	0.943009
XLOC_013398	IRS1	chr2:227596032-227663506	0.422368	0.442737	0.0679514	0.967296
XLOC_005858	UFM1	chr13:38923941-38937143	13.998	14.6738	0.0680149	0.944779
XLOC_022964	CTSL2	chr9:99791958-99801925	1.94657	2.04058	0.0680422	0.956177
XLOC_007250	ZNF609	chr15:64791618-64978266	3.49263	3.66134	0.0680575	0.947795
XLOC_001505	ERI3	chr1:44686741-44820939	53.5423	56.1298	0.0680869	0.942091
XLOC_013562	GZF1	chr20:23345020-23353683	2.45397	2.5726	0.0681118	0.952184
XLOC_022078	RMDN1	chr8:87484577-87521009	13.3804	14.0277	0.0681558	0.944479
XLOC_006805	NIN	chr14:51186480-51297839	3.48318	3.65171	0.068165	0.947325

XLOC_014084	ARFRP1	chr20:62289162-62367494	15.3558	16.0989	0.0681766	0.969826
XLOC_005424	FKBP11	chr12:49315741-49319330	157.495	165.12	0.0682059	0.944204
XLOC_015940	CNBP	chr3:128886657-128902810	123.151	129.115	0.0682306	0.946021
XLOC_006357	PSMC6	chr14:53173895-53194716	31.2119	32.7244	0.0682666	0.944658
XLOC_014979	KAT2B	chr3:20081523-20195896	1.37773	1.44451	0.0682823	0.960032
XLOC_007181	HYPK,SERF2	chr15:44038589-44094769	150.549	157.851	0.0683267	0.965967
XLOC_005552	METTL1	chr12:58162350-58165914	8.34021	8.74473	0.0683303	0.956177
XLOC_022249	ARHGAP39	chr8:145754562-145838888	5.55276	5.82217	0.0683526	0.952245
XLOC_018349	EFHC1	chr6:52284993-52360583	1.2525	1.31328	0.0683605	0.958439
XLOC_008784	ENO3	chr17:4854383-4860426	4.02834	4.22381	0.0683612	0.964628
XLOC_008491	SULT1A1	chr16:28616907-28634907	10.3984	10.9032	0.0683791	0.95594
XLOC_009899	LIMD2	chr17:61699800-61777519	7.33097	7.68696	0.0684097	0.964628
XLOC_003762	KIAA1731	chr11:93394815-93463522	0.794612	0.833205	0.0684219	0.961459
XLOC_001765	POLR3GL	chr1:145456235-145470387	28.5154	29.9006	0.068434	0.945208
XLOC_006155	DIS3	chr13:73302041-73590591	6.56087	6.87964	0.0684458	0.952539
XLOC_016519	SMARCA5	chr4:144434615-144478642	8.74964	9.17571	0.0685959	0.941566
XLOC_010683	MAP1S	chr19:17830302-17845324	20.9925	22.0151	0.0686177	0.946021
XLOC_014785	C22orf28	chr22:32783561-32808274	51.7358	54.2577	0.0686653	0.943361
XLOC_002961	DNAJC12	chr10:69556426-69597937	32.2861	33.8603	0.0686822	0.945399
XLOC_000821	UFC1	chr1:161123533-161128646	97.4398	102.191	0.0686867	0.941566
XLOC_006629	LINC00239	chr14:102196773-102198862	0.185007	0.194029	0.068689	1
XLOC_018987	RARS2	chr6:88224095-88299735	16.094	16.8793	0.0687353	0.947325
XLOC_007866	SYNGR3	chr16:2039945-2044276	8.3481	8.75573	0.0687804	0.956465
XLOC_012683	AGFG1	chr2:228336847-228425938	4.59636	4.8209	0.0688088	0.953159
XLOC_011998	ZNF814	chr19:58380746-58400442	1.33144	1.39655	0.0688804	0.954421
XLOC_020962	TRA2A	chr7:23544400-23571656	33.3082	34.9377	0.0689034	0.941566
XLOC_003813	SIK2	chr11:111473169-111637169	1.64974	1.73047	0.0689237	0.975928
XLOC_014172	ETS2	chr21:40177230-40196878	6.78951	7.12197	0.0689681	0.946021
XLOC_007836	METRN	chr16:765172-767480	138.841	145.644	0.0690108	0.944632
XLOC_017679	SGTB	chr5:64920557-65017941	2.4931	2.61534	0.0690601	0.967343
XLOC_006665	MTA1	chr14:105886185-105937057	44.2925	46.4647	0.0690741	0.941566
XLOC_018981	SYNCRIP	chr6:86317501-86353043	14.3738	15.0787	0.0690743	0.950563
XLOC_018482	TPD52L1	chr6:125474878-125584644	24.2218	25.41	0.0690867	0.945887
XLOC_010382	ATP8B1	chr18:55297533-55470327	0.0172942	0.0181427	0.0690946	1
XLOC_013384	OBSL1	chr2:220415449-220436268	13.5102	14.1745	0.0692418	0.947923
XLOC_009802	MRPL45P2	chr17:45527592-45569986	2.35925	2.47525	0.0692459	0.967343
XLOC_001082	ZNF678	chr1:227751219-227850164	0.460917	0.483581	0.0692533	0.961218
XLOC_020435	ZNRF2P1	chr7:32767561-32769595	0.788557	0.827357	0.0692944	0.977857
XLOC_015043	VIPR1	chr3:42530790-42579065	0.883204	0.926679	0.069322	0.970618
XLOC_017518	LOC728554	chr5:177302261-177311269	27.1688	28.5067	0.0693508	0.944792
XLOC_014429	LZTR1	chr22:21336557-21353326	12.4774	13.0919	0.0693552	0.943284
XLOC_003720	SERPINH1	chr11:75273100-75283849	98.5852	103.443	0.0693871	0.94188
XLOC_016143	UBXN7	chr3:196080368-196159345	1.83753	1.92812	0.0694247	0.954167
XLOC_012425	MZT2B	chr2:130908964-130948300	412.263	432.63	0.0695665	0.95395
XLOC_011521	PLVAP	chr19:17462263-17488137	0.0214634	0.022524	0.0695833	1
XLOC_017305	LYRM7	chr5:130506640-130541119	1.42637	1.49694	0.0696691	0.952978
XLOC_015413	KCNAB1	chr3:155838336-156256927	1.15455	1.21172	0.0697172	0.962384
XLOC_017479	NPM1	chr5:170814707-170837888	1545.55	1622.12	0.0697546	0.951036
XLOC_001243	NOL9	chr1:6581406-6614658	7.02837	7.37655	0.0697556	0.944761

XLOC_006732	IPO4	chr14:24641233-24658124	37.616	39.4832	0.0698934	0.941368
XLOC_009128	NSF	chr17:44668034-44834828	6.39491	6.71246	0.0699174	0.944033
XLOC_008480	ZKSCAN2	chr16:25247321-25268855	1.13611	1.19253	0.0699202	0.954981
XLOC_017735	CETN3	chr5:89689528-89705603	20.1882	21.1911	0.0699396	0.945688
XLOC_024195	FAM3A	chrX:153733326-153744566	15.4672	16.2367	0.0700465	0.944934
XLOC_023812	RPGR	chrX:38128422-38186788	1.47098	1.54417	0.0700533	0.961093
XLOC_021937	INTS9	chr8:28625174-28747698	10.5607	11.0864	0.0700937	0.946606
XLOC_000690	PIP5K1A	chr1:151171020-151222007	25.2186	26.4755	0.0701737	0.940847
XLOC_000250	KPNA6	chr1:32573643-32642168	8.17407	8.5817	0.0702076	0.940327
XLOC_002404	CCNY	chr10:35535952-35860847	24.6642	25.8976	0.0703985	0.942091
XLOC_014514	LIMK2	chr22:31608249-31676066	8.51851	8.94487	0.0704582	0.945399
XLOC_016363	UTP3	chr4:71554195-71556268	23.1643	24.324	0.0704763	0.940421
XLOC_021291	WASL	chr7:123321996-123389116	9.50451	9.98039	0.0704842	0.939224
XLOC_000219	SYTL1	chr1:27668482-27680423	16.1409	16.9497	0.0705352	0.949113
XLOC_013548	DTD1	chr20:18568555-18744560	64.753	67.9978	0.0705411	0.939929
XLOC_019135	KATNA1	chr6:149916010-149969940	11.6645	12.2507	0.0707407	0.945208
XLOC_011755	RTN2	chr19:45988545-46000313	14.2758	14.9934	0.0707603	0.952978
XLOC_018996	LYRM2	chr6:90142896-90348474	4.07211	4.27686	0.0707757	0.944033
XLOC_018909	MUT	chr6:49398072-49431041	5.6845	5.97039	0.0707927	0.945857
XLOC_014457	SMARCB1	chr22:24129149-24181199	81.3488	85.4412	0.0708109	0.943284
XLOC_004999	GLIPR1	chr12:75874512-75905418	14.5182	15.2487	0.0708157	0.961836
XLOC_022952	PTCH1	chr9:98205263-98279247	1.6174	1.69884	0.0708713	0.952795
XLOC_000251	TXLNA	chr1:32645344-32663886	21.728	22.8222	0.0708774	0.939948
XLOC_017982	LOC202181	chr5:177045500-177099278	0.559285	0.587465	0.0709176	0.971173
XLOC_018659	DEK	chr6:18224399-18264799	44.454	46.6981	0.0710489	0.940466
XLOC_015259	GTPBP8	chr3:112709799-112720221	7.92299	8.32321	0.071095	0.952795
XLOC_007709	TSPAN3	chr15:77336359-77363570	49.9354	52.4586	0.0711157	0.938636
XLOC_000116	EFHD2	chr1:15736390-15756839	50.5696	53.1255	0.0711343	0.939929
XLOC_008756	SRR	chr17:2207247-2240678	0.684332	0.718942	0.0711789	0.808631
XLOC_003004	NDST2	chr10:75561668-75571589	6.00535	6.3091	0.0711871	0.947756
XLOC_018442	FIG4	chr6:110012423-110146634	4.81096	5.05463	0.0712805	0.946375
XLOC_008078	SLC5A2	chr16:31494438-31519706	0.132167	0.13887	0.0713778	1
XLOC_021397	CDK5	chr7:150750898-150755052	34.3365	36.0812	0.0715051	0.944033
XLOC_012736	TRAF3IP1	chr2:239229184-239309541	2.30833	2.42564	0.0715149	0.954501
XLOC_011259	MIER2	chr19:305574-344791	12.1211	12.7371	0.071521	0.945597
XLOC_008733	SPATA2L	chr16:89753075-89768121	15.3919	16.1742	0.0715259	0.974108
XLOC_021603	RAB2A	chr8:61429468-61536203	24.4139	25.6551	0.071542	0.938489
XLOC_004735	CREBL2	chr12:12764830-12798041	5.96968	6.27318	0.0715436	0.944361
XLOC_007887	LOC652276	chr16:2653384-2680495	3.57577	3.75761	0.0715626	0.954981
XLOC_009018	MLLT6	chr17:36861872-36886056	16.2278	17.0535	0.0715994	0.939929
XLOC_015939	ISY1,ISY1-RAB43	chr3:128806411-128880073	19.813	20.8212	0.0716047	0.939451
XLOC_014950	ATG7	chr3:11314009-11762220	5.75773	6.05111	0.0716977	0.960529
XLOC_013698	CD40	chr20:44746905-44758384	15.7581	16.5616	0.0717521	0.9451
XLOC_012578	SPATS2L	chr2:201170603-201346986	8.25254	8.67345	0.071768	0.940421
XLOC_023345	RP2	chrX:46696346-46741791	1.33479	1.40288	0.0717756	0.958439
XLOC_012071	UBXN2A	chr2:24163375-24223693	4.69005	4.92929	0.0717777	0.952539
XLOC_015684	NME6	chr3:48335588-48342848	14.0812	14.7997	0.0717993	0.950862
XLOC_022697	ARRDC1	chr9:140500095-140513308	90.7255	95.3572	0.0718336	0.939583
XLOC_023064	STRBP	chr9:125883907-126030855	8.97326	9.43155	0.0718633	0.939306

XLOC_006276	MRPL52	chr14:23299091-23304246	68.4828	71.9825	0.0719036	0.940847
XLOC_014575	FAM83F	chr22:40390952-40426043	30.2564	31.8039	0.0719624	0.942918
XLOC_004451	CTSC	chr11:88026759-88070941	41.019	43.1174	0.071975	0.951173
XLOC_016289	N4BP2	chr4:40044536-40159872	0.420998	0.442536	0.0719805	0.961459
XLOC_016697	DHX15	chr4:24529087-24586184	34.7434	36.5225	0.0720454	0.937886
XLOC_002015	SCYL3	chr1:169764549-169863100	0.792729	0.833335	0.072068	0.982038
XLOC_013360	TMBIM1	chr2:219135114-219211516	69.6592	73.2307	0.0721352	0.944033
XLOC_003665	GSTP1	chr11:67351065-67354124	968.034	1017.67	0.0721413	0.940847
XLOC_021799	HSF1	chr8:145515269-145550567	122.948	129.255	0.0721715	0.952184
XLOC_018231	BRD2	chr6:32936436-32949282	33.6662	35.3935	0.0721807	0.939068
XLOC_006646	KLC1	chr14:104095524-104181823	18.4981	19.4481	0.0722477	0.952184
XLOC_021215	SAP25	chr7:100169852-100171270	1.27945	1.34517	0.0722718	0.978818
XLOC_023343	ZNF674-AS1	chrX:46404924-46407910	1.9638	2.06471	0.0722928	0.964442
XLOC_009190	DYNLL2	chr17:56160779-56167618	22.9165	24.0947	0.0723277	0.944204
XLOC_016097	TRA2B	chr3:185632357-185655924	28.0119	29.4546	0.0724549	0.937188
XLOC_008858	MAP2K4	chr17:11924134-12047051	5.41915	5.69835	0.0724779	0.945336
XLOC_000993	SNRPE	chr1:203830739-203840280	59.5101	62.5791	0.0725472	0.938245
XLOC_014682	TXNRD2	chr22:19863039-20004309	21.1438	22.2351	0.0726062	0.975592
XLOC_015760	NT5DC2	chr3:52529355-52569093	95.6012	100.538	0.0726453	0.938741
XLOC_014220	LOC642852	chr21:46707966-46717269	0.845913	0.88961	0.0726635	0.959358
XLOC_022124	ZNF706	chr8:102209265-102218292	39.3336	41.3673	0.0727308	0.938489
XLOC_023913	PJA1	chrX:68380580-68385365	7.38682	7.76886	0.0727501	0.948837
XLOC_003910	TIRAP	chr11:126152981-126164828	1.85631	1.95232	0.0727536	0.967343
XLOC_016936	NDUFC1	chr4:140211070-140311935	185.067	194.645	0.0727959	0.956884
XLOC_010268	ENOSF1	chr18:596997-712662	13.5743	14.277	0.0728183	0.950837
XLOC_008283	ZC3H18	chr16:88636788-88698372	7.87934	8.28747	0.0728561	0.944112
XLOC_019143	ULBP3	chr6:150385742-150390202	2.39436	2.5184	0.0728624	0.972711
XLOC_000764	DAP3	chr1:155658881-155708800	85.432	89.8612	0.072921	0.940466
XLOC_004513	NPAT	chr11:108028118-108093365	1.24862	1.31338	0.0729503	0.952795
XLOC_012957	NFU1	chr2:69623244-69664760	36.3301	38.2146	0.0729555	0.943284
XLOC_008704	ZDHHC7	chr16:85008066-85045141	11.7526	12.3635	0.0731074	0.941288
XLOC_006227	MCF2L-AS1	chr13:113621797-113622952	0.845503	0.889577	0.0733098	0.97664
XLOC_007118	KLF13	chr15:31619082-31670102	6.67865	7.02688	0.0733271	0.939356
XLOC_014766	SEC14L4	chr22:30884897-30901698	1.47313	1.55	0.0733856	0.964843
XLOC_021787	GRINA	chr8:145064225-145067583	343.128	361.041	0.0734151	0.937886
XLOC_021216	LRCH4	chr7:100171633-100183776	10.7925	11.3562	0.0734442	0.9451
XLOC_004395	ARAP1	chr11:72396113-72463434	13.9661	14.6964	0.073535	0.938564
XLOC_000598	MOV10	chr1:113217047-113243368	25.9358	27.2937	0.0736243	0.935381
XLOC_005665	NFYB	chr12:104510857-104532040	5.18069	5.45235	0.0737338	0.942091
XLOC_020902	MAD1L1	chr7:1855427-2272583	9.81598	10.3308	0.073747	0.945688
XLOC_006281	C14orf119	chr14:23527773-23569665	25.6414	26.9873	0.0738081	0.965501
XLOC_003287	TRIM34,TRIM6,TF	chr11:5617330-5665625	0.219232	0.23074	0.0738109	1
XLOC_005356	KRAS	chr12:25358179-25403854	4.7056	4.95271	0.0738383	0.940847
XLOC_010905	ZNF576	chr19:44100543-44104587	5.72492	6.02558	0.0738452	0.952184
XLOC_006997	JAG2	chr14:105607317-105635161	18.7119	19.6947	0.0738542	0.937188
XLOC_010818	ZNF345	chr19:37288451-37407193	0.445369	0.468766	0.0738665	0.981441
XLOC_022728	ZDHHC21	chr9:14611068-14693480	0.950899	1.00088	0.0739053	0.951036
XLOC_002664	FBXL15	chr10:104162373-104182893	11.9401	12.5682	0.0739689	0.951272
XLOC_016800	SDAD1	chr4:76871067-76912113	9.32762	9.81846	0.0739868	0.941566

XLOC_000589	ATP5F1	chr1:111982511-112004525	87.0749	91.657	0.0739887	0.945399
XLOC_011847	PNKP	chr19:50364459-50370822	34.3791	36.1883	0.0739911	0.94188
XLOC_008977	RHBDL3	chr17:30593194-30651680	0.871936	0.917827	0.0739995	0.963771
XLOC_003902	CHEK1	chr11:125495030-125550793	10.4861	11.0386	0.0740692	0.943388
XLOC_005766	ABCB9	chr12:123405497-123451056	4.12885	4.34659	0.074142	0.953159
XLOC_016983	NAF1	chr4:164047859-164088073	7.90356	8.32093	0.0742424	0.947923
XLOC_008343	HAGH	chr16:1859103-1877195	36.9009	38.8517	0.0743219	0.937886
XLOC_019138	LRP11	chr6:150139893-150244214	4.87013	5.12771	0.0743554	0.947795
XLOC_004691	C12orf57	chr12:7053202-7055165	330.215	347.701	0.0744404	0.935543
XLOC_001302	NBPF1	chr1:16890411-16939982	0.822968	0.866574	0.0744865	0.960529
XLOC_011689	TGFB1	chr19:41836811-41859831	105.871	111.484	0.0745234	0.936242
XLOC_000754	SLC50A1	chr1:155108287-155111334	39.4953	41.5891	0.0745268	0.938335
XLOC_014820	TMEM184B	chr22:38615297-38669040	16.0466	16.8978	0.0745632	0.937886
XLOC_001309	SDHB	chr1:17345224-17380665	117.742	123.997	0.0746725	0.934331
XLOC_018666	TDP2	chr6:24650204-24667115	14.2305	14.9868	0.0747037	0.939068
XLOC_009735	ACLY	chr17:40023178-40075272	33.3601	35.1355	0.0748039	0.935437
XLOC_010344	EPG5	chr18:43427573-43547305	1.39811	1.47254	0.0748367	0.944033
XLOC_009030	STARD3	chr17:37793332-37820454	26.324	27.7269	0.0749111	0.935543
XLOC_000291	CDCA8	chr1:38158072-38175391	29.8678	31.4598	0.0749203	0.937188
XLOC_023103	ZDHHC12	chr9:131464801-131486408	74.0721	78.0249	0.0750036	0.975484
XLOC_008201	VPS4A	chr16:69345286-69358946	59.5217	62.6988	0.0750219	0.935829
XLOC_010346	ATP5A1	chr18:43664109-43684199	266.62	280.866	0.0750976	0.936511
XLOC_006138	ATP7B	chr13:52506805-52585630	1.18101	1.24416	0.0751567	0.956644
XLOC_008466	RRN3P1	chr16:21807950-21830495	5.05861	5.32923	0.0751863	0.952184
XLOC_022899	UBQLN1	chr9:86274877-86323168	32.1143	33.833	0.0752176	0.93571
XLOC_015044	SS18L2	chr3:42589458-42690233	19.462	20.5054	0.0753445	0.967343
XLOC_018754	HLA-C	chr6:31236525-31239913	686.023	722.812	0.0753625	0.938489
XLOC_009626	CCL5	chr17:34198495-34207377	1.36413	1.43729	0.0753701	0.971663
XLOC_018242	KIFC1	chr6:33359312-33377699	29.0749	30.6343	0.0753774	0.936242
XLOC_008715	FBXO31	chr16:87362941-87425708	13.3737	14.0911	0.0753824	0.935843
XLOC_010269	YES1	chr18:721591-812327	9.21353	9.70789	0.0754042	0.935829
XLOC_006796	NEMF	chr14:50250531-50319539	3.67872	3.8764	0.0755156	0.944204
XLOC_007859	FAHD1	chr16:1877224-1922179	15.1863	16.0029	0.0755605	0.941862
XLOC_014582	RBX1	chr22:41347350-41369019	63.9195	67.3582	0.0755974	0.935829
XLOC_009188	AKAP1	chr17:55162552-55198710	12.4098	13.0774	0.0756035	0.937886
XLOC_001878	PYGO2	chr1:154929501-154934258	10.3476	10.9045	0.0756301	0.939356
XLOC_011589	CEBPA	chr19:33790839-33793430	23.2445	24.4979	0.0757733	0.939929
XLOC_009862	CUEDC1	chr17:55938603-56032684	5.89202	6.20994	0.0758166	0.945887
XLOC_013481	PSMF1	chr20:1093905-1148426	32.8691	34.6439	0.0758686	0.935543
XLOC_010355	IER3IP1	chr18:44681389-44702745	38.4722	40.5509	0.0759201	0.934857
XLOC_001918	HDGF	chr1:156711898-156722240	170.816	180.048	0.075939	0.935245
XLOC_017072	MTRR	chr5:7869216-7901235	5.0474	5.32032	0.0759741	0.945208
XLOC_015570	SEC13	chr3:10342614-10362858	69.5625	73.324	0.0759748	0.934861
XLOC_002631	ZFYVE27	chr10:99496877-99520664	14.5192	15.3043	0.0759749	0.939356
XLOC_003953	POLR2L	chr11:839720-842529	166.825	175.845	0.075977	0.934712
XLOC_003920	APLP2	chr11:129939715-130014706	77.1161	81.2921	0.0760828	0.937886
XLOC_001873	UBE2Q1	chr1:154521050-154531120	19.9366	21.0162	0.0760843	0.935571
XLOC_004889	HNRNPA1	chr12:54674487-54679030	813.979	858.127	0.0761991	0.939068
XLOC_018169	RPP21,TRIM39,TT	chr6:30201815-30314635	155.382	163.819	0.0762839	0.952184

XLOC_003162	PRDX3	chr10:120927214-120938345	89.8381	94.722	0.0763728	0.934684
XLOC_013444	HDAC4	chr2:239969863-240322643	0.471605	0.497263	0.0764311	0.963969
XLOC_018861	OARD1	chr6:41034530-41040188	11.6103	12.2426	0.0764981	0.946021
XLOC_009106	FZD2	chr17:42634811-42638630	5.523	5.82387	0.0765254	0.945597
XLOC_021222	UFSP1	chr7:100486343-100487339	3.88765	4.09986	0.0766764	0.968448
XLOC_004133	CCDC73	chr11:32605312-32816187	3.91243	4.12601	0.0766824	0.982567
XLOC_020590	DBF4	chr7:87463813-87538856	5.96801	6.29386	0.0766964	0.946222
XLOC_005043	TMPO	chr12:98906750-98944157	25.941	27.3582	0.0767417	0.935543
XLOC_013296	HSPD1	chr2:198351307-198418423	412.586	435.132	0.0767579	0.945689
XLOC_007624	CSNK1G1	chr15:64457715-64648442	1.92326	2.02858	0.0769195	0.943284
XLOC_024044	NKAPP1	chrX:119370308-119379122	0.381115	0.402014	0.0770191	0.974345
XLOC_002117	RAB1F	chr1:202847409-202858385	3.07899	3.24795	0.0770728	0.948523
XLOC_006444	LIN52	chr14:74551655-74667117	1.08222	1.1416	0.0770752	0.967343
XLOC_002471	CDK1	chr10:62538088-62554610	38.5098	40.624	0.0771079	0.934331
XLOC_015146	SPCS1	chr3:52719935-52742197	158.866	167.588	0.0771122	0.963969
XLOC_008896	SMCR8	chr17:18218593-18266856	2.04724	2.15973	0.0771698	0.971768
XLOC_018534	PHACTR2	chr6:143929316-144152322	1.86486	1.96743	0.0772408	0.938622
XLOC_017975	F12	chr5:176829138-176836577	33.7963	35.6555	0.0772569	0.935543
XLOC_001955	IGSF8	chr1:160061128-160068618	16.4474	17.3524	0.0772727	0.942184
XLOC_006076	SUPT20H	chr13:37574677-37633850	10.1033	10.6594	0.0772955	0.969535
XLOC_013845	PCNA	chr20:5095598-5107268	75.0235	79.1532	0.0773047	0.936242
XLOC_020381	TSPAN13	chr7:16793350-16824161	4.74136	5.00249	0.0773464	0.949188
XLOC_005090	MVK	chr12:110011499-110035071	13.1745	13.9012	0.0774584	0.941934
XLOC_002939	SGMS1	chr10:52065344-52383737	2.46994	2.60625	0.0775019	0.948152
XLOC_004332	FIBP	chr11:65647283-65656010	92.5746	97.6854	0.0775265	0.93305
XLOC_005959	DNAJC3	chr13:96329392-96447243	5.76498	6.08373	0.0776399	0.935829
XLOC_009350	GPS1	chr17:80009762-80015346	76.1059	80.3214	0.0777754	0.933064
XLOC_013454	MYEOV2	chr2:241065979-241075764	215.905	227.865	0.0777795	0.933736
XLOC_008179	CTCF	chr16:67596309-67673088	11.232	11.8542	0.0777824	0.935067
XLOC_023159	C9orf69	chr9:139006426-139010731	42.8269	45.1996	0.077795	0.934861
XLOC_010409	CYB5A	chr18:71920526-71959251	9.63639	10.1705	0.0778268	0.952539
XLOC_019114	REPS1	chr6:139225619-139309398	15.7168	16.5885	0.0778712	0.935571
XLOC_010423	CDC34	chr19:531732-542087	123	129.829	0.0779485	0.933369
XLOC_005681	CORO1C	chr12:109038884-109125326	107.507	113.477	0.0779652	0.93305
XLOC_016526	LSM6	chr4:147096834-147111213	23.8666	25.1936	0.0780674	0.943183
XLOC_015916	SLC12A8	chr3:124801479-124931609	4.46059	4.709	0.0781864	0.942918
XLOC_010507	FEM1A	chr19:4791727-4795571	14.7447	15.5668	0.0782694	0.934312
XLOC_002358	RPP38	chr10:15137383-15146256	26.4711	27.9474	0.0782981	0.936971
XLOC_015544	LMLN	chr3:197687070-197770591	0.584214	0.61682	0.0783522	0.955653
XLOC_014136	SOD1	chr21:33031934-33041243	343.918	363.117	0.0783687	0.932268
XLOC_004787	CCDC91	chr12:28410132-28703099	4.33575	4.57811	0.0784728	0.945399
XLOC_006118	LINC00441	chr13:48870648-48877797	0.07675	0.0810513	0.0786697	1
XLOC_002581	IFIT3	chr10:91087601-91100725	0.307223	0.324453	0.0787236	1
XLOC_014048	PPP4R1L	chr20:56807832-56884495	0.16113	0.17017	0.078749	1
XLOC_007841	CHTF18	chr16:838621-850733	14.4412	15.2519	0.0788041	0.939068
XLOC_019002	NDUFAF4	chr6:97337186-97345767	10.3135	10.8935	0.0789384	0.935829
XLOC_014946	LINC00852	chr3:10290176-10335133	0.852865	0.900856	0.0789784	0.994068
XLOC_007675	ADPGK	chr15:73043707-73090540	17.5723	18.5613	0.0789943	0.934861
XLOC_001119	GPR137B	chr1:236305831-236372209	10.5811	11.177	0.0790394	0.938335

XLOC_007513	C15orf57	chr15:40845297-40857252	20.7362	21.9043	0.0790655	0.934312
XLOC_020448	STARD3NL	chr7:38217807-38270272	21.3888	22.594	0.0790821	0.936311
XLOC_022608	USP20	chr9:132597695-132644117	12.0802	12.7611	0.0791078	0.935829
XLOC_007609	GTF2A2	chr15:59930260-59949737	25.7635	27.2159	0.0791223	0.934861
XLOC_001958	COPA	chr1:160258376-160328742	20.6212	21.784	0.0791407	0.947338
XLOC_008736	CENPBD1	chr16:90036182-90067195	1.47411	1.55737	0.079268	0.975492
XLOC_005112	OAS1	chr12:113344738-113357712	0.0251676	0.0265892	0.0792729	1
XLOC_003146	ABLIM1	chr10:116190868-116444414	9.04711	9.5583	0.079297	0.933369
XLOC_016997	C4orf27	chr4:170650618-170679093	15.1665	16.0239	0.0793441	0.940466
XLOC_004078	CSNK2A3	chr11:11292420-11643561	0.247103	0.261074	0.0793447	1
XLOC_008315	AXIN1	chr16:337439-402676	29.6499	31.3264	0.0793517	0.930495
XLOC_007904	IL32	chr16:3115312-3119668	379.952	401.438	0.0793579	0.93285
XLOC_017490	CPEB4	chr5:173315330-173387313	0.628046	0.663565	0.0793668	0.956177
XLOC_013113	PAX8	chr2:113973573-114036498	1.22044	1.28947	0.079379	0.97562
XLOC_015331	LOC100507032	chr3:129612713-129627755	1.74896	1.84795	0.0794229	0.951185
XLOC_005654	CCDC53	chr12:102406716-102455899	20.3582	21.5113	0.0794909	0.941365
XLOC_015124	RBM15B	chr3:51428698-51534018	12.4572	13.1631	0.0795245	0.936827
XLOC_000339	ARTN	chr1:44398991-44402912	0.196946	0.208111	0.0795551	1
XLOC_010452	MUM1	chr19:1354975-1378430	8.82435	9.32542	0.0796784	0.934331
XLOC_000533	TRMT13	chr1:100598705-100643829	2.16089	2.2836	0.0796859	0.952184
XLOC_009580	FAM222B	chr17:27082995-27169841	4.88782	5.16568	0.0797684	0.939068
XLOC_005757	DIABLO	chr12:122692208-122712068	41.7957	44.1738	0.0798366	0.929971
XLOC_004037	TAF10	chr11:6624963-6633475	130.669	138.106	0.0798592	0.967226
XLOC_012741	GPC1	chr2:241375114-241407495	31.5839	33.3818	0.0798752	0.930077
XLOC_016996	NEK1	chr4:170314420-170533778	1.0044	1.06164	0.0799595	0.950837
XLOC_018176	C6orf136	chr6:30614815-30640830	23.6642	25.0133	0.0799934	0.967296
XLOC_004293	PLA2G16	chr11:63341943-63381941	66.154	69.9258	0.0799973	0.93305
XLOC_009756	AARSD1,PTGES3	chr17:41102542-41132545	32.4474	34.2986	0.0800442	0.932188
XLOC_010128	PSMG2	chr18:12658737-12725739	77.9565	82.4052	0.0800649	0.933451
XLOC_023671	HMGB3	chrX:150151762-150159248	12.1405	12.8338	0.0801218	0.933617
XLOC_008629	GFOD2	chr16:67708435-67753273	15.0049	15.8635	0.0802722	0.944348
XLOC_001973	B4GALT3	chr1:161141099-161147758	30.0384	31.758	0.0803136	0.931798
XLOC_016428	TIGD2	chr4:90033967-90036052	3.35468	3.54685	0.0803607	0.948824
XLOC_001132	EXO1	chr1:242011492-242053241	4.81181	5.08752	0.0803825	0.93855
XLOC_007333	PSMA4	chr15:78832746-78841563	104.179	110.155	0.0804725	0.930048
XLOC_001211	NADK	chr1:1682670-1711508	42.6944	45.1474	0.080596	0.931457
XLOC_014875	EFCAB6	chr22:43912133-44208217	0.0538189	0.0569151	0.0807008	1
XLOC_002547	TSPAN14	chr10:82214037-82282391	4.2133	4.45589	0.0807652	0.935543
XLOC_010038	OXLD1	chr17:79632065-79633618	47.7836	50.535	0.0807664	0.940466
XLOC_001230	LRRRC47	chr1:3696783-3713068	32.2054	34.0608	0.080806	0.929645
XLOC_003563	C11orf83	chr11:62430288-62441162	16.1557	17.0864	0.0808101	0.974348
XLOC_014974	OXNAD1	chr3:16306666-16347594	1.76666	1.86846	0.0808255	0.951036
XLOC_023051	NDUFA8	chr9:124906337-124922098	135.883	143.714	0.0808394	0.927701
XLOC_012483	TANK	chr2:161993465-162092683	7.98222	8.44319	0.0809986	0.953159
XLOC_018380	MTO1	chr6:74171453-74211179	5.50982	5.82819	0.0810443	0.939356
XLOC_010790	TMEM147	chr19:36024313-36038429	204.782	216.64	0.0812089	0.934331
XLOC_000393	ZFYVE9	chr1:52608045-52812358	2.69327	2.84926	0.0812254	0.938489
XLOC_008456	ERI2	chr16:20775311-20860990	3.60899	3.81822	0.0813057	0.961847
XLOC_015089	DHX30	chr3:47844398-47891686	33.4641	35.4046	0.0813229	0.929645

XLOC_018897	AARS2	chr6:44266462-44281063	6.46165	6.83641	0.0813376	0.933684
XLOC_006435	ACOT2	chr14:74034323-74042362	9.27711	9.81586	0.0814384	0.945208
XLOC_009876	TEX14	chr17:56634037-56769416	0.0327823	0.0346863	0.0814454	1
XLOC_000597	CAPZA1	chr1:113162074-113214241	76.102	80.5243	0.0814903	0.930495
XLOC_002632	GOLGA7B	chr10:99609994-99790585	0.111502	0.117995	0.0816643	1
XLOC_008717	KLHDC4	chr16:87741417-87799598	18.0151	19.0658	0.0817832	0.93571
XLOC_005547	DCTN2	chr12:57916658-57941114	62.3512	65.9923	0.0818796	0.939929
XLOC_013467	THAP4	chr2:242523819-242576725	84.8227	89.7832	0.0819947	0.941005
XLOC_001601	DEPDC1	chr1:68939834-68962799	5.25335	5.56074	0.0820408	0.934331
XLOC_014778	PISD	chr22:31892124-32026810	21.1115	22.3484	0.0821461	0.94749
XLOC_002595	KIF11	chr10:94352824-94415152	7.5965	8.04161	0.0821496	0.926279
XLOC_000372	FAAH	chr1:46859938-46879520	9.24214	9.78398	0.0821948	0.939651
XLOC_002394	RAB18	chr10:27793102-27831166	10.648	11.2732	0.0823202	0.925922
XLOC_018812	TAPBP,ZBTB22	chr6:33267471-33285719	29.6182	31.3575	0.0823255	0.933369
XLOC_016910	FLJ14186	chr4:120326677-120331815	1.67783	1.77646	0.0824131	0.954981
XLOC_002399	PTCHD3P1	chr10:29698500-29711299	5.25032	5.55916	0.08246	0.943284
XLOC_008427	GSPT1	chr16:11961984-12010519	20.8852	22.1151	0.0825482	0.929461
XLOC_018228	LOC100507463	chr6:32808493-32821748	0.972899	1.03021	0.0825734	0.992899
XLOC_014200	AGPAT3	chr21:45285115-45407475	7.62916	8.07879	0.0826156	0.92921
XLOC_013024	REEP1	chr2:86441119-86565206	0.568765	0.602322	0.0827011	0.960529
XLOC_011803	LIG1	chr19:48618702-48673560	16.1544	17.1083	0.0827685	0.93285
XLOC_007833	RHOT2	chr16:718082-724174	40.9558	43.3766	0.0828484	0.926868
XLOC_000972	RNPEP	chr1:201951765-201975275	34.5713	36.6161	0.0829037	0.927701
XLOC_022253	COMMD5	chr8:146075550-146078932	60.8951	64.5006	0.0829861	0.929645
XLOC_008602	GOT2	chr16:58741034-58768246	83.5048	88.4524	0.0830429	0.925533
XLOC_005519	RNF41	chr12:56596287-56615753	10.7892	11.4294	0.0831659	0.929057
XLOC_008364	ABCA3	chr16:2325878-2390747	13.738	14.5537	0.0832124	0.925518
XLOC_009292	CDK3,TEN1	chr17:73937588-74002080	35.873	38.0052	0.0832992	0.960032
XLOC_002343	PROSER2	chr10:11865396-11936709	3.86965	4.09979	0.083348	0.944779
XLOC_013790	DNAJC5	chr20:62526454-62567384	13.525	14.3294	0.0833483	0.926086
XLOC_001672	SASS6	chr1:100549101-100598511	1.41861	1.50299	0.0833607	0.948101
XLOC_020455	CDK13	chr7:39989958-40136733	1.71741	1.81957	0.0833618	0.940341
XLOC_003583	NUDT22	chr11:63993729-63997488	53.6026	56.7973	0.0835216	0.931798
XLOC_004992	RAB21	chr12:72148657-72181150	12.0311	12.7486	0.0835711	0.92921
XLOC_002754	BCCIP	chr10:127512103-127569884	57.4563	60.8837	0.083593	0.945399
XLOC_017514	GRK6	chr5:176853686-176883287	27.4621	29.1006	0.0836062	0.941368
XLOC_006403	LOC100506321	chr14:65381078-65569413	0.117707	0.124733	0.0836381	1
XLOC_012916	MTIF2	chr2:55463755-55496384	15.902	16.8515	0.0836712	0.926705
XLOC_003939	RNH1	chr11:494511-507283	103.952	110.159	0.0836717	0.925922
XLOC_022222	TSTA3	chr8:144694787-144699732	188.828	200.112	0.0837334	0.927701
XLOC_021623	CSPP1	chr8:67976602-68108849	2.1694	2.29914	0.083799	0.938149
XLOC_006230	ADPRHL1	chr13:114076259-114107839	3.52504	3.73622	0.083941	0.952184
XLOC_023712	FAM50A	chrX:153672472-153679002	85.1793	90.2864	0.084006	0.925922
XLOC_003677	CCND1	chr11:69455872-69469242	26.2074	27.78	0.0840727	0.925517
XLOC_003149	HSPA12A	chr10:118430702-118502085	1.50307	1.5933	0.0841012	0.945597
XLOC_004653	LOC100507424	chr12:2945981-2998691	0.695038	0.736796	0.0841737	0.99142
XLOC_010525	TRIP10	chr19:6739706-6751529	40.0137	42.418	0.0841815	0.926086
XLOC_009119	CRHR1-JT1	chr17:43697709-43913194	3.63789	3.85652	0.0841985	0.975928
XLOC_004082	BTBD10	chr11:13409555-13484838	9.31707	9.87713	0.0842163	0.929461

XLOC_022244	TONSL	chr8:145654162-145669812	23.3518	24.7567	0.0842872	0.925997
XLOC_007411	LOC100507118	chr15:91509267-91537881	5.64108	5.98065	0.0843332	0.977857
XLOC_001814	PI4KB	chr1:151254790-151300191	18.7714	19.9032	0.0844583	0.942996
XLOC_008682	TMEM170A	chr16:75480922-75498584	4.80593	5.09572	0.0844688	0.952184
XLOC_018085	GMNN	chr6:24775158-24786325	18.8141	19.9496	0.0845419	0.934005
XLOC_003600	ARL2,SNX15	chr11:64781584-64808044	180.849	191.774	0.0846187	0.926251
XLOC_003002	BMS1P4	chr10:75458908-75490272	0.414032	0.439045	0.0846292	0.971768
XLOC_002180	ANGEL2	chr1:213165523-213189168	5.10304	5.41138	0.0846385	0.932687
XLOC_015126	TEX264	chr3:51705221-51738339	93.4756	99.124	0.0846443	0.925997
XLOC_018634	SSR1	chr6:7281287-7313541	9.17932	9.7344	0.0847042	0.92367
XLOC_002731	TACC2	chr10:123748688-124014057	8.00711	8.49194	0.0848119	0.931567
XLOC_009865	MKS1	chr17:56282796-56296966	9.58833	10.169	0.0848196	0.933451
XLOC_008596	CSNK2A2	chr16:58191811-58231782	49.103	52.0786	0.0848805	0.921691
XLOC_008529	BCL7C	chr16:30899115-30905399	104.121	110.437	0.0849724	0.924689
XLOC_014202	PWP2	chr21:45527207-45551063	21.4996	22.8052	0.0850525	0.921683
XLOC_014040	AURKA	chr20:54944444-54967351	23.5805	25.0125	0.0850554	0.927002
XLOC_014092	RGS19	chr20:62704534-62711324	23.6351	25.0715	0.0851192	0.933369
XLOC_014194	PKNOX1	chr21:44394642-44453688	1.93355	2.05113	0.085166	0.944348
XLOC_008503	HIRIP3	chr16:30003641-30007417	9.03452	9.58397	0.0851744	0.937886
XLOC_019030	PPIL6	chr6:109711417-109765122	0.463036	0.491204	0.0851992	0.982866
XLOC_009332	BAIAP2	chr17:79008946-79156964	17.766	18.847	0.085212	0.926279
XLOC_000237	YTHDF2	chr1:29063132-29096287	30.9015	32.7842	0.0853245	0.92085
XLOC_003113	CUEDC2	chr10:104183001-104192423	89.0235	94.4586	0.0854964	0.921904
XLOC_014053	CTSZ	chr20:57570241-57582309	81.1888	86.1456	0.0854967	0.922274
XLOC_009262	TTYH2	chr17:72209695-72258157	9.29957	9.86772	0.0855533	0.931457
XLOC_001550	SELRC1	chr1:53152013-53164038	4.77353	5.06527	0.0855841	0.940466
XLOC_000009	ISG15	chr1:948846-949919	112.959	119.863	0.0855869	0.925922
XLOC_015852	CBLB	chr3:105377108-105587887	0.489101	0.519016	0.0856452	0.962161
XLOC_023377	PQBP1	chrX:48750729-48760422	77.1378	81.8564	0.0856574	0.961236
XLOC_005413	ZNF641	chr12:48733792-48745029	1.98307	2.1044	0.0856742	0.939651
XLOC_004827	TROAP	chr12:49716970-49725514	39.4156	41.8274	0.0856817	0.947923
XLOC_011868	FAM71E1	chr19:50970044-50986608	3.81737	4.05096	0.0856872	0.990711
XLOC_012901	PIGF	chr2:46769866-46844251	20.5927	21.8531	0.0857063	0.971663
XLOC_006166	RNF219	chr13:78628989-79233314	3.50401	3.71848	0.0857067	0.934932
XLOC_015567	CIDECP	chr3:10059236-10067820	5.26345	5.58575	0.085743	0.960032
XLOC_008534	VKORC1	chr16:31102174-31106276	362.69	384.919	0.0858202	0.924162
XLOC_014975	PLCL2	chr3:16926451-17132098	1.19323	1.26637	0.0858237	0.974593
XLOC_009279	NUP85	chr17:73201596-73231854	21.1582	22.4562	0.0858917	0.92367
XLOC_017149	IPO11,LRRC70	chr5:61708572-61924416	10.7057	11.3624	0.0858925	0.933451
XLOC_012175	MSH2	chr2:47630205-47710367	8.00136	8.49383	0.0861693	0.926086
XLOC_016206	KIAA0232	chr4:6784458-6885899	1.93333	2.05235	0.0861919	0.933369
XLOC_015841	DCBLD2	chr3:98514813-98620533	2.79086	2.96269	0.0861997	0.932687
XLOC_007587	MYO5A	chr15:52599479-52821247	2.30868	2.45089	0.0862382	0.927345
XLOC_021715	ENY2	chr8:110346551-110358189	35.2296	37.4007	0.0862767	0.919765
XLOC_001364	SYF2	chr1:25548766-25559013	37.9659	40.3065	0.0863061	0.922274
XLOC_007934	C16orf72	chr16:9185536-9213555	7.09374	7.53125	0.086343	0.927099
XLOC_008716	ZCCHC14	chr16:87439851-87525460	2.51779	2.67337	0.0865015	0.934058
XLOC_009176	UTP18	chr17:49337896-49375292	37.433	39.7469	0.0865313	0.91974
XLOC_016683	TAPT1	chr4:16162127-16228161	2.12338	2.25471	0.0865852	0.938335

XLOC_000593	DDX20	chr1:112264685-112310199	6.15048	6.53109	0.0866236	0.939306
XLOC_017022	IRF2	chr4:185308875-185395726	4.58211	4.86589	0.086691	0.942168
XLOC_000676	RPRD2	chr1:150336989-150449041	3.2107	3.40979	0.0867939	0.927553
XLOC_001010	MAPKAPK2	chr1:206858364-206907630	31.8568	33.8356	0.086941	0.922118
XLOC_002120	CYB5R1	chr1:202931000-202936404	25.6611	27.2556	0.0869703	0.924456
XLOC_004366	FAM86C2P	chr11:67559237-67572807	0.977499	1.03825	0.0869877	0.967296
XLOC_010752	RGS9BP	chr19:33166312-33169206	0.177546	0.188588	0.087043	1
XLOC_007575	USP50	chr15:50716578-50838902	0.806596	0.856843	0.0871847	0.991167
XLOC_012088	CENPA	chr2:27008881-27017455	17.7583	18.8646	0.0871902	0.933369
XLOC_002851	ARHGAP21	chr10:24872537-25012597	4.62443	4.91268	0.087234	0.922427
XLOC_014934	OGG1	chr3:9791627-9811668	13.3775	14.2114	0.0872402	0.967226
XLOC_012737	ASB1	chr2:239335625-239360891	30.416	32.3121	0.0872442	0.919811
XLOC_007576	TRPM7	chr15:50849351-50979012	2.43508	2.58718	0.0874139	0.929461
XLOC_017053	SDHA	chr5:218355-256814	54.4129	57.8121	0.0874231	0.919811
XLOC_005079	PWP1	chr12:108079589-108106257	32.6432	34.6831	0.0874474	0.921421
XLOC_021398	FASTK	chr7:150773707-150777970	45.6869	48.5423	0.087463	0.92475
XLOC_014672	DGCR14	chr22:19117791-19132190	4.62199	4.91093	0.0874831	0.931668
XLOC_012984	DUSP11	chr2:73989324-74007284	17.8491	18.9654	0.0875141	0.924931
XLOC_005110	PTPN11	chr12:112856535-112947717	10.5943	11.2574	0.0875941	0.919076
XLOC_008564	N4BP1	chr16:48572636-48644120	2.6672	2.83417	0.0876034	0.933523
XLOC_006936	TC2N	chr14:92246266-92333880	0.00291982	0.00310263	0.0876088	1
XLOC_013729	RTFDC1	chr20:55043646-55101208	46.522	49.4349	0.0876169	0.919811
XLOC_005420	ADCY6	chr12:49159974-49182820	6.37553	6.77501	0.0876792	0.925922
XLOC_022531	CNTRL	chr9:123850573-123939886	1.68446	1.79002	0.0876821	0.934312
XLOC_012181	ERLEC1	chr2:53897116-54087170	11.2741	11.9808	0.0877086	0.940466
XLOC_021115	WBSCR16	chr7:74456282-74489699	34.9379	37.1292	0.0877605	0.92085
XLOC_012939	VPS54	chr2:64119666-64246214	2.96135	3.14714	0.0877844	0.934861
XLOC_005318	LRP6	chr12:12268960-12419811	1.01337	1.07694	0.0877891	0.937886
XLOC_020404	CBX3	chr7:26240830-26253227	82.993	88.2005	0.0877977	0.920464
XLOC_007345	FAM108C1	chr15:80987651-81047962	8.6972	9.24308	0.0878225	0.933651
XLOC_014872	MCAT	chr22:43528211-43539403	18.5274	19.692	0.087946	0.925997
XLOC_012891	THADA	chr2:43457974-43823185	1.96661	2.09043	0.0880936	0.933651
XLOC_009352	TEX19	chr17:80317122-80321652	0.482895	0.513304	0.0881032	0.969667
XLOC_001470	GJA9,MYCBP	chr1:39328161-39347298	9.34694	9.93563	0.0881165	0.926458
XLOC_020330	HEATR2	chr7:588833-826116	20.6479	21.9503	0.0882478	0.945399
XLOC_017370	PCDHB3	chr5:140480233-140483406	0.153913	0.163623	0.0882608	1
XLOC_021541	WRN	chr8:30853320-31031277	1.67026	1.77566	0.0882777	0.93855
XLOC_004980	CPSF6	chr12:69633316-69668138	9.56875	10.1732	0.0883687	0.917228
XLOC_017162	CCNB1	chr5:68462836-68474070	52.1119	55.4039	0.0883748	0.923579
XLOC_023710	ATP6AP1	chrX:153656977-153664862	64.3748	68.4415	0.0883749	0.916584
XLOC_019120	HIVEP2	chr6:143072603-143266338	2.27139	2.41494	0.0884145	0.929057
XLOC_017510	NSD1	chr5:176560079-176727214	1.83694	1.95309	0.0884555	0.925922
XLOC_010449	CIRBP	chr19:1267469-1274809	112.067	119.154	0.0884741	0.925922
XLOC_017802	SHROOM1	chr5:132157832-132166590	9.03721	9.60968	0.0886107	0.933523
XLOC_005444	CERS5	chr12:50523580-50561097	20.5269	21.8284	0.088692	0.920446
XLOC_020772	C7orf73	chr7:135347220-135361160	12.9018	13.7207	0.0887787	0.923571
XLOC_021126	STYXL1	chr7:75625654-75677321	16.8465	17.9171	0.0888922	0.93053
XLOC_021000	LSM5	chr7:32524944-32534870	21.0098	22.3454	0.0889156	0.917338
XLOC_010393	KDSR	chr18:60994970-61034506	21.3104	22.6659	0.0889623	0.917559

XLOC_007816	ITFG3	chr16:284800-316119	23.3816	24.8693	0.0889913	0.920079
XLOC_018517	PEX7	chr6:137143701-137235072	7.50285	7.98026	0.0889954	0.936242
XLOC_014530	HMOX1	chr22:35777059-35790207	83.1052	88.3952	0.0890287	0.920464
XLOC_021072	PHKG1	chr7:56131916-56160689	25.8883	27.5378	0.0891147	0.964442
XLOC_006362	SOCS4	chr14:55493843-55516206	2.74963	2.92505	0.0892265	0.926279
XLOC_017263	EPB41L4A-AS1	chr5:111496222-111498198	80.8219	85.9805	0.0892642	0.9183
XLOC_018405	SLC35A1	chr6:88182642-88222057	6.50448	6.92041	0.0894242	0.93285
XLOC_012571	COQ10B	chr2:198318230-198339851	19.4624	20.7074	0.0894597	0.9183
XLOC_009363	RPH3AL	chr17:62179-202633	3.16055	3.36282	0.0894961	0.948369
XLOC_015555	OXTR	chr3:8792094-8811300	0.0979532	0.104231	0.0896197	1
XLOC_010056	CCDC57	chr17:80059345-80170689	4.36953	4.65002	0.0897596	0.938071
XLOC_022731	TTC39B	chr9:15170841-15307358	0.341251	0.363164	0.0897874	1
XLOC_021675	TMEM67	chr8:94767071-94831460	1.41855	1.50966	0.0898047	0.940466
XLOC_008309	GAS8	chr16:90089007-90114191	4.57978	4.874	0.0898282	0.941368
XLOC_001653	GF11	chr1:92940317-92952433	1.93039	2.05444	0.0898541	0.952294
XLOC_022896	TLE1	chr9:84198597-84303596	6.36956	6.77904	0.0898868	0.931457
XLOC_012933	FAM161A	chr2:62051982-62081278	0.964474	1.02648	0.089898	0.952184
XLOC_000185	RCAN3	chr1:24822822-24863510	2.97294	3.16424	0.0899692	0.944202
XLOC_021571	IKBKB	chr8:42128819-42190171	11.5145	12.2559	0.0900265	0.917149
XLOC_003266	RRM1	chr11:4115923-4160106	27.2987	29.0575	0.0900763	0.915223
XLOC_017189	UTP15	chr5:72861597-72877794	3.99948	4.25731	0.0901278	0.930021
XLOC_018582	MRPL18	chr6:160211491-160219461	65.5483	69.7742	0.0901352	0.917958
XLOC_013561	NXT1	chr20:23331372-23335408	35.2734	37.55	0.0902315	0.925029
XLOC_022595	TBC1D13	chr9:131549509-131572711	18.5052	19.6996	0.0902399	0.916694
XLOC_001809	CDC42SE1	chr1:151020258-151032125	33.2846	35.436	0.0903605	0.919777
XLOC_010039	ARL16	chr17:79648223-79650954	23.8321	25.3734	0.0904074	0.925593
XLOC_008675	MLKL	chr16:74705752-74734789	8.03778	8.55765	0.0904162	0.933523
XLOC_007821	DECR2	chr16:451857-462487	19.1995	20.4446	0.09065	0.930948
XLOC_021005	NT5C3	chr7:33053724-33102409	16.0912	17.1353	0.0906967	0.919777
XLOC_018568	ARID1B	chr6:157099063-157531913	2.72057	2.89715	0.0907233	0.923579
XLOC_012877	SRSF7	chr2:38970740-38978636	48.6163	51.773	0.0907623	0.915693
XLOC_004744	HTR7P1	chr12:13153375-13157764	0.934329	0.995037	0.0908196	0.952978
XLOC_016493	SPATA5	chr4:123844224-124240604	0.651841	0.694217	0.0908677	0.944671
XLOC_004612	ACRV1	chr11:125495030-125550793	0.0807972	0.0860543	0.0909413	1
XLOC_008693	GCSH	chr16:81115551-81129980	13.7257	14.6187	0.0909438	0.922289
XLOC_017521	RMND5B	chr5:177558027-177575479	19.8184	21.109	0.091013	0.921553
XLOC_016824	LIN54	chr4:83845755-83934040	1.84578	1.96607	0.0910845	0.934293
XLOC_021069	FKBP9L	chr7:55748766-55772260	0.496018	0.528346	0.09109	0.967226
XLOC_018396	CYB5R4	chr6:84569369-84670146	3.72724	3.97037	0.0911686	0.936071
XLOC_023773	RBBP7	chrX:16862774-16888534	40.1422	42.7614	0.0911895	0.915239
XLOC_000852	UCK2	chr1:165796731-165880855	24.1286	25.7043	0.091269	0.912694
XLOC_012241	CCT7	chr2:73461363-73480150	328.471	349.931	0.0913066	0.921553
XLOC_002883	FZD8	chr10:35927176-35930362	2.08945	2.22597	0.0913145	0.95395
XLOC_003540	DAK	chr11:61066918-61136975	9.40845	10.0234	0.0913453	0.978818
XLOC_008680	BCAR1	chr16:75262927-75301951	25.3442	27.0009	0.0913517	0.917716
XLOC_000906	TOR3A	chr1:179051111-179065129	15.6832	16.7088	0.0913904	0.919811
XLOC_009375	PITPNA	chr17:1420212-1466110	17.7311	18.8917	0.0914678	0.917559
XLOC_017453	TTC1	chr5:159436179-159492550	42.7773	45.5775	0.091478	0.915911
XLOC_000534	RTCA	chr1:100731713-100758325	16.2124	17.2741	0.0915117	0.916694

XLOC_018404	C6orf165	chr6:88117689-88174191	0.0499361	0.0532082	0.0915666	1
XLOC_008753	RPA1	chr17:1733272-1802848	14.086	15.0094	0.0916039	0.913887
XLOC_020531	SBDSP1	chr7:72299951-72307978	15.4573	16.4711	0.0916447	0.919369
XLOC_022670	RABL6	chr9:139690789-139735639	135.193	144.076	0.0918101	0.919516
XLOC_003230	TALDO1	chr11:747431-765024	145.47	155.032	0.0918403	0.913931
XLOC_016657	LOC100129931	chr4:6911170-7059677	10.2187	10.8914	0.0919763	0.939929
XLOC_008991	FNDC8	chr17:33448630-33457751	1.02894	1.09671	0.0920264	0.967296
XLOC_020437	FKBP9	chr7:32997004-33046543	9.55929	10.1896	0.0921245	0.919725
XLOC_003701	ATG16L2	chr11:72525450-72540680	22.4945	23.9791	0.0922006	0.920543
XLOC_014788	LARGE	chr22:33669061-34316416	3.64738	3.8881	0.0922072	0.931457
XLOC_009274	CDR2L	chr17:72983726-73001892	15.1081	16.1055	0.0922227	0.919694
XLOC_017874	YIPF5	chr5:143537722-143550278	7.43768	7.92877	0.0922445	0.922019
XLOC_013135	IWS1	chr2:128238382-128284087	11.578	12.3427	0.0922743	0.915458
XLOC_006373	ACTR10	chr14:58666832-58702353	13.4798	14.3707	0.0923352	0.920479
XLOC_011498	BRD4	chr19:15348300-15391262	8.58894	9.15672	0.0923516	0.916694
XLOC_001798	ANP32E	chr1:150190716-150208504	16.2172	17.2895	0.092367	0.915543
XLOC_022268	PPAPDC2	chr9:4598315-4666674	4.27173	4.55422	0.0923828	0.940421
XLOC_006126	SPRYD7	chr13:50486841-50510625	5.23512	5.5814	0.0924022	0.925922
XLOC_002871	MTPAP	chr10:30598729-30638267	7.92327	8.44758	0.0924411	0.91534
XLOC_003655	ADRBK1	chr11:67033904-67054029	36.0156	38.3998	0.0924794	0.91207
XLOC_014736	TFIP11	chr22:26879849-26908437	11.8889	12.6773	0.0926334	0.940327
XLOC_005565	GNS	chr12:65107221-65153226	8.81199	9.39725	0.0927697	0.912292
XLOC_011480	PRKACA	chr19:14202506-14228559	22.7876	24.3014	0.0927897	0.913887
XLOC_012991	MOGS	chr2:74688183-74692537	41.35	44.0979	0.0928229	0.912694
XLOC_003087	COX15	chr10:101419262-101515894	9.40112	10.026	0.0928423	0.94086
XLOC_015721	IP6K1	chr3:49761727-49823973	8.36017	8.91629	0.0929119	0.918791
XLOC_018997	MDN1	chr6:90353230-90529442	0.727908	0.776329	0.0929126	0.926868
XLOC_017755	ST8SIA4	chr5:100142638-100238987	0.00233538	0.00249076	0.0929271	1
XLOC_013822	ZNF343	chr20:2462466-2489778	2.86592	3.05662	0.0929368	0.933451
XLOC_001495	LEPRE1	chr1:43212005-43232755	16.395	17.4869	0.0930156	0.916356
XLOC_021217	PCOLCE-AS1	chr7:100183955-100205798	0.0465385	0.0496389	0.0930448	1
XLOC_001430	RNF19B	chr1:33402049-33430286	11.2702	12.0211	0.0930641	0.924033
XLOC_022504	DNAJC25,DNAJC	chr9:114393631-114432526	95.3073	101.663	0.0931428	0.913887
XLOC_009074	TUBG1	chr17:40731525-40767256	38.8477	41.4388	0.0931502	0.954143
XLOC_024118	ATP11C	chrX:138808504-138914447	2.05736	2.19466	0.0932076	0.925517
XLOC_014054	ATP5E,SLMO2	chr20:57603732-57617901	659.296	703.331	0.0932774	0.939146
XLOC_005760	ZCCHC8	chr12:122956145-122985543	4.41911	4.71436	0.0933056	0.925638
XLOC_012353	NCK2	chr2:106361519-106510730	16.6795	17.7945	0.0933562	0.921553
XLOC_006361	SAMD4A	chr14:55034329-55260033	2.92162	3.11702	0.0933962	0.930021
XLOC_012400	DDX18	chr2:118572254-118589953	14.7081	15.6922	0.0934346	0.910997
XLOC_013720	BCAS4	chr20:49411466-49493714	26.8011	28.5959	0.0935141	0.920543
XLOC_003443	SLC39A13	chr11:47430045-47438051	32.7195	34.9112	0.0935393	0.914505
XLOC_023706	EMD	chrX:153607596-153609883	121.264	129.396	0.0936368	0.912357
XLOC_015314	PODXL2	chr3:127348001-127391653	47.8371	51.0455	0.0936542	0.910109
XLOC_007593	RAB27A	chr15:55495163-55582013	1.84569	1.96951	0.0936754	0.939068
XLOC_006726	ZFHX2	chr14:23980968-24048009	0.18204	0.194256	0.0936985	1
XLOC_004976	RAP1B	chr12:69004618-69054385	81.2617	86.7149	0.0937056	0.912629
XLOC_002371	ARL5B	chr10:18948312-18966940	2.44598	2.61013	0.0937077	0.934861
XLOC_014321	PIGP	chr21:38437663-38445458	38.3223	40.8958	0.0937684	0.9194

XLOC_015911	CCDC14	chr3:123632273-123680255	4.87223	5.19963	0.0938279	0.920779
XLOC_009834	SPOP	chr17:47676245-47755525	11.9281	12.7297	0.0938318	0.916388
XLOC_010267	C18orf56	chr18:596997-712662	5.16904	5.51689	0.0939602	0.985492
XLOC_001874	ADAR	chr1:154554533-154600456	20.4221	21.7969	0.0939856	0.91015
XLOC_023721	F8A1	chrX:154064063-154250998	6.75708	7.21203	0.094006	0.964843
XLOC_015757	BAP1	chr3:52435024-52444009	23.6355	25.2276	0.0940472	0.911597
XLOC_002192	RAB3GAP2	chr1:220321609-220445843	3.14084	3.35243	0.0940541	0.919777
XLOC_011420	KEAP1	chr19:10596795-10614054	38.3021	40.8824	0.0940579	0.91015
XLOC_006890	ABCD4	chr14:74751979-74769767	14.792	15.7887	0.0940687	0.914757
XLOC_020410	HOXA-AS4	chr7:27202056-27219880	0.793917	0.847439	0.0941222	0.959358
XLOC_002240	FAM89A	chr1:231154703-231175995	22.2797	23.7821	0.0941477	0.915089
XLOC_010832	CATSPERG	chr19:38826442-38861589	0.182763	0.195092	0.094181	1
XLOC_023608	UTP14A	chrX:129040096-129063738	11.2238	11.9816	0.0942506	0.915911
XLOC_002891	ZNF33B	chr10:43084554-43133992	2.33638	2.4943	0.0943564	0.92401
XLOC_001633	ZNHIT6	chr1:86115105-86174116	5.60073	5.97931	0.0943622	0.913875
XLOC_006343	KLHDC1	chr14:50159822-50219870	0.119844	0.127946	0.0943784	1
XLOC_017025	ACSL1	chr4:185676748-185747215	8.21549	8.77122	0.0944307	0.915911
XLOC_013759	OSBPL2	chr20:60813579-60871269	8.31411	8.87688	0.0944911	0.913887
XLOC_010036	NPLOC4	chr17:79523912-79604138	20.4701	21.8569	0.094568	0.907812
XLOC_004726	GABARAPL1	chr12:10365488-10375724	7.33648	7.83391	0.0946456	0.929101
XLOC_013394	CUL3	chr2:225334866-225450114	6.15019	6.56737	0.094686	0.910997
XLOC_011601	DMKN	chr19:35988118-36004560	82.505	88.1022	0.0946964	0.922457
XLOC_005745	SPPL3	chr12:121200312-121342155	12.9923	13.8744	0.0947732	0.915693
XLOC_007782	HDDC3	chr15:91473409-91497323	17.4204	18.6034	0.0947835	0.974348
XLOC_017529	CANX	chr5:179125929-179158639	78.4283	83.7548	0.0947963	0.909176
XLOC_001098	URB2	chr1:229761980-229795946	2.59728	2.77367	0.0947985	0.925922
XLOC_007915	CLUAP1	chr16:3550944-3627392	3.30868	3.53346	0.0948245	0.930559
XLOC_022614	EXOSC2	chr9:133569157-133580452	32.1859	34.3739	0.0948834	0.908098
XLOC_009786	DCAKD	chr17:43100705-43138473	15.9613	17.0465	0.0949029	0.917958
XLOC_020463	UBE2D4	chr7:43966034-44058748	3.38945	3.61995	0.0949163	0.938232
XLOC_005855	RFXAP	chr13:37393338-37403740	2.44573	2.61207	0.0949282	0.937886
XLOC_000881	PRRC2C	chr1:171454665-171562650	4.55503	4.86486	0.0949373	0.907256
XLOC_010391	PIGN	chr18:59711457-59854289	2.97718	3.17977	0.0949752	0.922274
XLOC_011454	WDR83OS	chr19:12777617-12792701	184.598	197.168	0.0950396	0.936311
XLOC_007331	IREB2	chr15:78730517-78793798	4.1518	4.4349	0.095165	0.915911
XLOC_007403	IQGAP1	chr15:90931472-91045475	9.03497	9.65115	0.0951812	0.908661
XLOC_006919	GTF2A1	chr14:81641795-81687575	2.96713	3.16975	0.0952987	0.921904
XLOC_015542	LRCH3	chr3:197518144-197598456	1.76064	1.88093	0.0953454	0.950252
XLOC_012160	PPM1B	chr2:44395999-44461742	7.70239	8.22901	0.0954115	0.934043
XLOC_015657	ZDHHC3	chr3:44956752-45017674	2.88531	3.08271	0.0954722	0.911075
XLOC_010617	GCDH	chr19:13001973-13030086	26.7749	28.607	0.095487	0.915009
XLOC_006931	RPS6KA5	chr14:91337166-91526993	0.33267	0.355442	0.0955217	1
XLOC_018594	LOC100289495	chr6:166756118-166764957	0.256527	0.274114	0.0956633	1
XLOC_020361	USP42	chr7:6144549-6201195	2.31531	2.47419	0.0957528	0.93102
XLOC_004697	C1RL-AS1	chr12:7247145-7274447	0.290306	0.310256	0.0958866	1
XLOC_016215	TRMT44	chr4:8442531-8478282	4.30356	4.59932	0.095893	0.931457
XLOC_007387	AEN	chr15:89164526-89175512	27.4045	29.2883	0.0959121	0.909496
XLOC_000082	UBIAD1	chr1:11333254-11348491	9.60689	10.268	0.0960134	0.913931
XLOC_022426	CKS2	chr9:91926112-91931618	425.445	454.723	0.0960135	0.911326

XLOC_017369	PCDHB2	chr5:140474236-140476964	2.48502	2.65613	0.0960712	0.945778
XLOC_007756	NMB	chr15:85198359-85201802	35.1931	37.6165	0.0960719	0.923912
XLOC_013388	FARSB	chr2:223436161-223520827	27.444	29.3337	0.0960721	0.908282
XLOC_015819	SHQ1	chr3:72798427-72897598	4.86901	5.20431	0.0960777	0.926279
XLOC_000595	CTTNBP2NL	chr1:112938799-113003786	4.61384	4.93158	0.0960816	0.91609
XLOC_017533	CNOT6	chr5:179921416-180005353	4.96322	5.30519	0.0961307	0.91207
XLOC_021178	SHFM1	chr7:96318078-96339203	392.248	419.276	0.0961334	0.907273
XLOC_020472	PPIA	chr7:44836240-44842716	629.874	673.278	0.0961388	0.914725
XLOC_005502	ITGA5	chr12:54789044-54813050	24.0844	25.744	0.0961408	0.906934
XLOC_014411	TBX1	chr22:19744225-19771112	1.74763	1.8681	0.096166	0.963969
XLOC_013642	CTNBL1	chr20:36322433-36500520	23.2708	24.8751	0.0961808	0.910891
XLOC_022579	LOC389791	chr9:130890807-130892913	0.404693	0.432611	0.0962419	0.970533
XLOC_004610	TMEM218	chr11:124964265-124981659	2.47676	2.64764	0.0962529	0.933523
XLOC_020595	STEAP2	chr7:89840999-89866992	2.35654	2.51923	0.0963109	0.945399
XLOC_020941	ISPD	chr7:16127151-16460947	0.0989207	0.105753	0.0963525	1
XLOC_021745	TRIB1	chr8:126442562-126450644	21.6112	23.1038	0.0963546	0.905839
XLOC_008391	ADCY9	chr16:4012649-4166186	1.44062	1.54022	0.0964461	0.935095
XLOC_011383	NDUFA7	chr19:8376183-8386280	168.035	179.653	0.0964516	0.906356
XLOC_004754	MGST1	chr12:16500075-16530123	142.044	151.877	0.0965636	0.907121
XLOC_007654	AAGAB	chr15:67493012-67819641	11.639	12.4448	0.096584	0.930855
XLOC_008837	CHD3	chr17:7788122-7816075	13.4254	14.3555	0.0966403	0.908661
XLOC_002972	SAR1A	chr10:71909960-71930285	24.9922	26.7244	0.0966784	0.90073
XLOC_020655	GNB2	chr7:100271362-100276792	416.564	445.443	0.096704	0.907121
XLOC_009078	VPS25	chr17:40925453-40931617	83.962	89.7891	0.0968036	0.907121
XLOC_018975	PGM3	chr6:83777384-83906256	4.53935	4.85453	0.0968451	0.934043
XLOC_001906	C1orf85	chr1:156262477-156265480	31.752	33.9571	0.096864	0.915911
XLOC_011008	RUVBL2	chr19:49497155-49519182	228.039	243.878	0.0968764	0.910891
XLOC_002235	TAF5L	chr1:229728865-229761794	6.56853	7.02484	0.0968951	0.920779
XLOC_002996	MSS51	chr10:75183336-75193319	0.585211	0.625932	0.0970497	0.961694
XLOC_013205	IFIH1	chr2:163123588-163175218	0.4677	0.500274	0.0971339	0.956644
XLOC_005270	LOC389634	chr12:8509559-8543348	1.2906	1.3805	0.0971477	0.975492
XLOC_003649	C11orf80,RCE1	chr11:66512206-66614003	24.4154	26.1164	0.0971638	0.933523
XLOC_013891	CST3	chr20:23614293-23618574	218.062	233.263	0.097221	0.90665
XLOC_000482	RPF1	chr1:84944919-84972262	19.9951	21.3892	0.0972375	0.964843
XLOC_000836	DUSP12	chr1:161719580-161726952	24.0604	25.7387	0.0972817	0.912629
XLOC_004101	HPS5	chr11:18300216-18343721	1.87147	2.00215	0.0973781	0.930948
XLOC_012200	B3GNT2	chr2:62423261-62451866	3.85049	4.11959	0.0974603	0.930187
XLOC_001188	C1orf170	chr1:910578-917473	0.918056	0.982251	0.0975094	0.956261
XLOC_017559	LOC728613	chr5:1597671-1634120	0.598588	0.640474	0.0975758	0.960125
XLOC_011051	POLD1	chr19:50887579-50921275	28.6539	30.659	0.0975819	0.911326
XLOC_011631	ZNF585B	chr19:37672480-37701451	0.853008	0.912721	0.0976142	0.937188
XLOC_012147	MORN2	chr2:39103102-39109850	9.66603	10.3427	0.0976153	0.934043
XLOC_007903	MMP25	chr16:3096681-3110724	2.55041	2.729	0.0976438	0.943284
XLOC_001313	ALDH4A1	chr1:19197923-19229293	14.4738	15.4873	0.0976487	0.911326
XLOC_015427	SMC4	chr3:160117429-160152741	6.32129	6.76399	0.0976547	0.908598
XLOC_009141	PNPO	chr17:46018888-46026674	14.2	15.1971	0.0979045	0.907121
XLOC_002991	ECD	chr10:74894281-74927853	10.9294	11.6976	0.0979974	0.913931
XLOC_005204	PXMP2	chr12:133264191-133281577	12.9176	13.8259	0.0980329	0.934861
XLOC_008783	RNF167	chr17:4843629-4848517	81.6558	87.3974	0.0980347	0.902851

XLOC_007896	KREMEN2	chr16:3014216-3018384	19.3126	20.6709	0.0980543	0.924033
XLOC_006277	MMP14	chr14:23305792-23316803	17.7716	19.0218	0.0980827	0.905903
XLOC_011764	DMPK	chr19:46272975-46285815	12.544	13.4275	0.0981934	0.925922
XLOC_013547	LINC00493	chr20:18548072-18550203	129.866	139.017	0.0982385	0.907875
XLOC_013592	POFUT1	chr20:30795695-30826467	6.95646	7.44706	0.0983169	0.907121
XLOC_002007	NME7	chr1:169075946-169337186	8.8716	9.49731	0.0983252	0.954501
XLOC_002139	RBBP5	chr1:205055269-205091150	3.13371	3.35494	0.0984132	0.92295
XLOC_022476	NR4A3	chr9:102584136-102629173	0.250099	0.26779	0.0986006	1
XLOC_007864	TBL3	chr16:2022063-2028751	30.7531	32.9291	0.0986316	0.907121
XLOC_009318	PGS1	chr17:76374734-76573476	10.0858	10.7996	0.0986527	0.924033
XLOC_023122	RAPGEF1	chr9:134452156-134612925	16.8154	18.0056	0.0986655	0.904922
XLOC_023192	TPRN	chr9:140086068-140095163	45.3341	48.5436	0.0986846	0.90459
XLOC_022663	C9orf163	chr9:139334547-139380519	0.277567	0.297223	0.0987079	1
XLOC_021207	GAL3ST4	chr7:99756864-99766373	0.390034	0.417665	0.098748	0.970185
XLOC_007363	FAM103A1	chr15:83654954-83680393	18.4076	19.7136	0.0988867	0.93305
XLOC_021962	PPAPDC1B	chr8:38120649-38126738	34.6688	37.1292	0.0989155	0.934861
XLOC_009902	FTSJ3	chr17:61896792-61909387	14.8302	15.8828	0.098926	0.959358
XLOC_006781	TRAPPC6B	chr14:39617014-39639634	3.50652	3.75541	0.0989291	0.920543
XLOC_008411	USP7	chr16:8985950-9057341	15.6429	16.7535	0.0989549	0.903631
XLOC_014813	ANKRD54	chr22:38226861-38240378	13.3378	14.2848	0.0989599	0.916694
XLOC_006353	C14orf166	chr14:52456227-52471420	188.39	201.774	0.0990164	0.905466
XLOC_017155	TRAPPC13	chr5:64920557-65017941	5.43098	5.81699	0.0990596	0.948113
XLOC_013705	ARFGEF2	chr20:47538274-47653230	1.70972	1.83143	0.0992066	0.917575
XLOC_009792	PLEKHM1	chr17:43513265-43568146	11.4525	12.2688	0.0993374	0.906934
XLOC_001040	ATF3	chr1:212738675-212794119	14.1227	15.1298	0.0993724	0.912532
XLOC_023120	FAM78A	chr9:134133464-134151906	3.69867	3.96252	0.0994116	0.927404
XLOC_007622	FAM96A	chr15:64364760-64386207	50.5229	54.1285	0.0994522	0.901045
XLOC_023115	C9orf78	chr9:132589563-132597572	62.062	66.4924	0.0994793	0.903683
XLOC_008903	TVP23B	chr17:18684581-18710026	9.94011	10.6502	0.0995421	0.91609
XLOC_005034	METAP2	chr12:95867821-95909613	28.1357	30.1466	0.0995943	0.905839
XLOC_021877	FAM90A25P	chr8:12272029-12275541	1.03401	1.10794	0.0996199	0.960032
XLOC_009848	ANKRD40	chr17:48770550-48785270	10.0435	10.762	0.0996809	0.904905
XLOC_007453	NIPA1	chr15:23043278-23086843	5.63509	6.03848	0.0997468	0.907121
XLOC_022144	TRPS1	chr8:116420723-116681228	0.489639	0.524723	0.099839	0.938232
XLOC_008007	LCMT1	chr16:25123046-25189551	36.4002	39.0085	0.0998401	0.901402
XLOC_004543	ZNF259	chr11:116649275-116658739	37.1047	39.7664	0.0999511	0.901751
XLOC_023928	ERCC6L	chrX:71401525-71483814	1.91133	2.04852	0.100004	0.954765
XLOC_007853	CRAMP1L	chr16:1664640-1727909	1.93951	2.07873	0.100015	0.924931
XLOC_000693	PSMB4	chr1:151372040-151374412	505.426	541.713	0.100028	0.90301
XLOC_001007	IKBKE	chr1:206643585-206670223	2.60848	2.79594	0.100123	0.932511
XLOC_004474	MRE11A	chr11:94150468-94227040	1.98331	2.12593	0.100184	0.922427
XLOC_003215	RIC8A	chr11:208529-236362	67.7798	72.6584	0.100274	0.915911
XLOC_017997	MGAT4B	chr5:179224597-179285840	97.6443	104.679	0.100361	0.967343
XLOC_022712	GLIS3	chr9:3824127-4300035	0.157042	0.168365	0.100438	1
XLOC_017751	RIOK2	chr5:96496570-96519005	6.75572	7.24303	0.100484	0.909433
XLOC_009337	FSCN2	chr17:79495416-79504156	0.0966485	0.10362	0.100484	1
XLOC_010562	ZNF177,ZNF559,2	chr19:9434447-9493293	2.34917	2.51873	0.100544	0.934861
XLOC_009946	CDC42EP4	chr17:71279762-71308143	7.77392	8.33521	0.100576	0.917559
XLOC_008850	NTN1	chr17:8924858-9147317	2.8011	3.0036	0.100699	0.926279

XLOC_004868	ESPL1	chr12:53662082-53687427	4.67068	5.00853	0.100755	0.910956
XLOC_015589	MRPS25	chr3:14984285-15106816	12.3106	13.2014	0.100789	0.938427
XLOC_006223	CARS2	chr13:111293756-111358480	55.9199	59.9678	0.100828	0.900642
XLOC_009576	SDF2	chr17:26975373-26989207	19.2096	20.6007	0.10087	0.911478
XLOC_022012	TPPA	chr8:63972047-63998612	0.325352	0.348922	0.1009	1
XLOC_013317	WDR12	chr2:203745322-203776949	15.3724	16.4862	0.10091	0.905839
XLOC_020350	AP5Z1	chr7:4815261-4834026	10.6187	11.3883	0.10095	0.905545
XLOC_018621	TUBB2A	chr6:3153901-3157783	13.1862	14.1419	0.100951	0.920464
XLOC_001506	TMEM53	chr1:45119500-45140099	1.88391	2.02046	0.100953	0.954535
XLOC_017245	ERAP2	chr5:96211643-96255406	3.0331	3.25296	0.100962	0.915442
XLOC_000677	TARS2	chr1:150459839-150480085	26.0595	27.9491	0.100995	0.898731
XLOC_002587	RPP30	chr10:92631708-92668312	5.51258	5.91239	0.101015	0.925638
XLOC_002218	ITPKB	chr1:226819390-226926876	2.1677	2.32493	0.101024	0.927002
XLOC_000927	LAMC2	chr1:183155173-183214262	0.127079	0.136312	0.101192	1
XLOC_010689	CCDC124	chr19:18043823-18054794	217.433	233.237	0.101225	0.900639
XLOC_010691	ARRDC2	chr19:18111943-18124911	16.0726	17.2424	0.10136	0.907226
XLOC_008620	LRRC29	chr16:67241041-67260901	1.03556	1.11096	0.101387	0.966442
XLOC_003109	C10orf76	chr10:103605355-103815932	3.92102	4.20665	0.101443	0.916308
XLOC_007154	VPS18	chr15:41186627-41196173	14.4079	15.4576	0.101457	0.905839
XLOC_021141	PCLO	chr7:82383320-82792197	0.0208724	0.0223955	0.101611	1
XLOC_022930	SPTLC1	chr9:94793426-94877690	26.1813	28.0921	0.101627	0.919354
XLOC_001857	S100A16	chr1:153579366-153585514	849.621	911.644	0.101651	0.905305
XLOC_023723	BRCC3	chrX:154299694-154351349	3.04639	3.26882	0.101667	0.925922
XLOC_006147	DIAPH3	chr13:60239720-60738119	6.04973	6.49196	0.101783	0.907256
XLOC_017425	NDST1	chr5:149887673-149937773	4.57621	4.91079	0.1018	0.907121
XLOC_009870	SUPT4H1	chr17:56378587-56494931	36.8938	39.5912	0.101803	0.903027
XLOC_022337	CREB3	chr9:35697333-35749225	30.441	32.6672	0.101826	0.960032
XLOC_003802	DDX10	chr11:108535815-108811648	9.56762	10.2682	0.101948	0.905579
XLOC_000924	NPL	chr1:182758583-182799519	0.9073	0.973738	0.101954	0.953159
XLOC_008256	MLYCD	chr16:83932729-83949787	8.33408	8.94436	0.101956	0.92085
XLOC_013017	C2orf68	chr2:85829964-85876407	3.64047	3.9074	0.102085	0.967343
XLOC_020750	SMKR1	chr7:129142319-129152773	6.32791	6.79192	0.10209	0.938622
XLOC_011350	MLLT1	chr19:6210391-6279959	25.4973	27.367	0.102095	0.901277
XLOC_015936	RPN1	chr3:128338812-128369719	78.6223	84.3895	0.102126	0.900642
XLOC_012312	NCAPH	chr2:97001483-97041274	4.81456	5.16777	0.102136	0.909512
XLOC_016309	DCUN1D4	chr4:52709275-52783003	5.18656	5.56762	0.102281	0.909176
XLOC_004654	RHNO1	chr12:2945981-2998691	7.54927	8.10464	0.10241	0.974073
XLOC_006441	ZNF410	chr14:74353317-74398991	16.0489	17.2297	0.102422	0.903116
XLOC_001912	IQGAP3	chr1:156495196-156542396	8.58841	9.22038	0.102434	0.900677
XLOC_008155	SETD6	chr16:58549382-58663790	5.01794	5.38718	0.102434	0.980024
XLOC_003395	CAPRIN1	chr11:34073229-34124157	38.3563	41.1822	0.102556	0.899607
XLOC_016686	QDPR	chr4:17488015-17513857	31.2706	33.577	0.102668	0.901684
XLOC_000735	CREB3L4	chr1:153931574-153950451	5.73127	6.15403	0.102675	0.986782
XLOC_000826	TOMM40L	chr1:161195832-161208000	9.16869	9.84533	0.102724	0.912292
XLOC_001009	DYRK3	chr1:206808880-206822542	13.6969	14.7079	0.102744	0.905903
XLOC_011311	CACTIN	chr19:3607244-3626813	13.0875	14.054	0.102798	0.907653
XLOC_018740	PPP1R10	chr6:30568176-30585084	11.4152	12.2588	0.102858	0.9027
XLOC_012808	SDC1	chr2:20400557-20425194	24.0274	25.8039	0.102905	0.899607
XLOC_006659	CEP170B	chr14:105331649-105363107	11.5587	12.4134	0.10293	0.901045

XLOC_007697	SIN3A	chr15:75661719-75748124	4.22183	4.53408	0.102943	0.906633
XLOC_020746	TSPAN33	chr7:128784711-128809534	26.2817	28.227	0.103019	0.899621
XLOC_015348	CDV3	chr3:133292433-133309118	37.5873	40.3704	0.10305	0.899607
XLOC_006697	SUPT16H	chr14:21819630-21852425	29.165	31.3249	0.103072	0.902234
XLOC_001180	LOC729737	chr1:134772-140566	0.258294	0.277427	0.10309	1
XLOC_017375	PCDHB7	chr5:140552242-140555957	0.568464	0.610576	0.103103	0.954501
XLOC_012849	SUPT7L	chr2:27848505-27917847	9.42176	10.1197	0.103105	0.952184
XLOC_008457	DCUN1D3	chr16:20869395-20936328	1.75349	1.88352	0.103202	0.969826
XLOC_020679	FAM185A	chr7:102389398-102449672	1.9469	2.09147	0.103338	0.939948
XLOC_002199	AIDA	chr1:222841354-222885864	22.25	23.9024	0.103348	0.897568
XLOC_004134	CSTF3	chr11:33106129-33183037	16.7906	18.0376	0.103358	0.954535
XLOC_013035	EIF2AK3	chr2:88856258-88927094	1.77543	1.90732	0.103383	0.927002
XLOC_017814	SAR1B	chr5:133936838-133968533	3.07971	3.30858	0.103419	0.907875
XLOC_023850	TFE3	chrX:48886241-48900990	28.5318	30.6524	0.10343	0.896977
XLOC_006856	RAB15	chr14:65381078-65569413	10.7705	11.5717	0.103518	0.967343
XLOC_000733	INTS3	chr1:153700566-153746555	8.08976	8.6916	0.103525	0.90409
XLOC_005103	SH2B3	chr12:111843751-111889427	12.6469	13.5879	0.103538	0.898538
XLOC_017596	DROSHA	chr5:31400601-31532282	3.80842	4.09201	0.103619	0.905839
XLOC_001628	MCOLN3	chr1:85483764-85514223	4.87855	5.24184	0.103621	0.917338
XLOC_003737	PCF11	chr11:82868136-82896835	3.33728	3.58606	0.103728	0.908598
XLOC_024006	MORC4	chrX:106183963-106243474	7.85988	8.44601	0.103764	0.901045
XLOC_000350	KIF2C	chr1:45205489-45233438	29.325	31.5138	0.103853	0.899998
XLOC_021914	ENTPD4	chr8:23286664-23315244	3.52472	3.78791	0.103891	0.908265
XLOC_014400	PEX26	chr22:18560685-18573797	7.22085	7.76048	0.103977	0.906934
XLOC_021452	FAM86B3P	chr8:8086091-8102387	2.72593	2.92966	0.103982	0.951272
XLOC_003989	NUP98	chr11:3696239-3847601	7.38351	7.93539	0.103994	0.92921
XLOC_010183	PIK3C3	chr18:39535198-39661446	8.63611	9.28195	0.104047	0.902428
XLOC_007880	CCNF	chr16:2479394-2508859	8.31098	8.93265	0.104069	0.905545
XLOC_023459	FOXO4	chrX:70315998-70323384	1.32932	1.42877	0.104079	0.943024
XLOC_008340	MRPS34	chr16:1821895-1823140	161.414	173.51	0.104254	0.898467
XLOC_001399	TAF12	chr1:28929608-28969604	37.8463	40.6842	0.104316	0.902497
XLOC_001446	TRAPPC3	chr1:36602169-36621654	63.2944	68.0442	0.104395	0.899326
XLOC_011313	APBA3	chr19:3708334-3761673	12.4297	13.3626	0.104409	0.916694
XLOC_016994	CBR4	chr4:169908741-169931468	4.98424	5.35847	0.104446	0.910891
XLOC_020932	RPA3	chr7:7676574-7918851	16.803	18.0655	0.104518	0.916937
XLOC_005153	WDR66	chr12:122356462-122441832	0.178657	0.192084	0.104548	1
XLOC_007161	ITPKA	chr15:41786055-41795757	31.227	33.5748	0.104587	0.906254
XLOC_013021	POLR1A	chr2:86253450-86333278	5.24314	5.63779	0.104699	0.900639
XLOC_018187	TCF19	chr6:31126302-31131992	7.30447	7.85488	0.10481	0.906934
XLOC_008724	PIEZO1	chr16:88772890-88851372	20.0333	21.5437	0.104865	0.907256
XLOC_018809	VPS52	chr6:33217312-33239662	8.18049	8.79739	0.104888	0.905839
XLOC_003114	C10orf95	chr10:104209573-104216050	1.66224	1.78763	0.104922	0.983736
XLOC_015159	FLNB	chr3:57994126-58157982	9.0127	9.69265	0.104933	0.894574
XLOC_010762	KCTD15	chr19:34287750-34306666	11.8943	12.7931	0.105099	0.894574
XLOC_009963	NT5C	chr17:73106081-73127890	125.873	135.395	0.105205	0.906423
XLOC_013501	MRPS26	chr20:3026674-3028896	138.486	148.974	0.105323	0.896541
XLOC_002529	ZNF503-AS2	chr10:77157602-77168740	1.96331	2.112	0.105325	0.976866
XLOC_004918	IKZF4	chr12:56414688-56432219	1.13865	1.22506	0.105525	0.934861
XLOC_021325	CHCHD3	chr7:132469622-132766828	73.4342	79.0082	0.10555	0.891142

XLOC_000737	UBAP2L	chr1:154179182-154243329	23.0625	24.8131	0.105555	0.960032
XLOC_001622	GN5	chr1:84944919-84972262	289.73	311.727	0.105574	0.914269
XLOC_010548	SNAPC2	chr19:7985193-7988136	53.7981	57.8833	0.105591	0.897319
XLOC_001047	PROX1	chr1:214161277-214214847	0.0375023	0.0403504	0.105602	1
XLOC_021046	SNHG15	chr7:45022626-45026259	142.651	153.49	0.10566	0.893931
XLOC_007467	HERC2	chr15:28356182-28567298	2.66152	2.86376	0.105662	0.898032
XLOC_023161	QSOX2	chr9:139098181-139137687	20.5729	22.1364	0.105678	0.894866
XLOC_017357	ANKHD1,ANKHD1	chr5:139781398-139929163	29.3916	31.6256	0.105687	0.954981
XLOC_009362	DOC2B	chr17:6010-31420	0.855623	0.920676	0.105718	0.971173
XLOC_012992	CCDC142,MRPL5	chr2:74699084-74721691	101.918	109.673	0.105802	0.93053
XLOC_000615	PTGFRN	chr1:117452688-117532972	6.96944	7.50002	0.105853	0.897332
XLOC_018743	NRM	chr6:30655823-30659197	21.6974	23.3497	0.105881	0.91015
XLOC_013837	CENPB	chr20:3764497-3767337	43.3329	46.646	0.106292	0.89536
XLOC_017532	SQSTM1	chr5:179224597-179285840	203.945	219.553	0.106385	0.92539
XLOC_017466	RARS	chr5:167913462-167946309	36.8374	39.6565	0.106388	0.890564
XLOC_003633	SART1	chr11:65729159-65747607	24.1085	25.9538	0.106401	0.895433
XLOC_021043	H2AFV	chr7:44866487-44887725	38.7172	41.6808	0.106409	0.914725
XLOC_009148	ATP5G1	chr17:46970147-46973232	177.333	190.933	0.106607	0.89536
XLOC_016453	GSTCD	chr4:106629940-106768882	1.69876	1.82908	0.106634	0.92475
XLOC_010619	RAD23A	chr19:13056627-13064457	121.253	130.559	0.106688	0.893674
XLOC_022976	ALG2	chr9:101978706-101984246	16.4342	17.6967	0.106783	0.898502
XLOC_010378	TXNL1	chr18:54270052-54305920	72.534	78.1086	0.106824	0.893674
XLOC_011756	OPA3	chr19:46031024-46088122	2.89065	3.11285	0.106844	0.951272
XLOC_023533	NGFRAP1	chrX:102631267-102633001	154.899	166.807	0.106846	0.894866
XLOC_002849	PIP4K2A	chr10:22823765-23003503	7.45984	8.03331	0.10685	0.898747
XLOC_023592	NDUFA1	chrX:119004494-119010629	265.523	285.952	0.106934	0.910997
XLOC_017933	C1QTNF2	chr5:159774774-159797648	0.962147	1.03618	0.106945	0.950837
XLOC_001267	MAD2L2	chr1:11734536-11751678	119.55	128.75	0.106953	0.890882
XLOC_012364	RANBP2	chr2:109335936-109402267	3.95705	4.26172	0.10701	0.895686
XLOC_001215	C1orf86	chr1:1981908-2144159	146.329	157.598	0.107033	0.929145
XLOC_002684	CCDC147	chr10:106113521-106214848	0.441448	0.475454	0.107061	0.952233
XLOC_021530	ELP3	chr8:27950583-28048669	10.2298	11.018	0.107085	0.901045
XLOC_001860	ILF2	chr1:153631129-153643504	148.236	159.66	0.107106	0.901684
XLOC_003348	NUCB2	chr11:17298285-17353070	9.28908	10.0051	0.107126	0.906423
XLOC_005822	CDK8	chr13:26828755-26978569	3.68865	3.97343	0.107291	0.926086
XLOC_022786	BAG1	chr9:33252469-33264759	17.3308	18.6689	0.107298	0.889403
XLOC_001651	TGFBR3	chr1:92145899-92371559	0.39326	0.423637	0.107347	0.944295
XLOC_015920	OSBPL11	chr3:125247701-125314381	1.21701	1.31105	0.107375	0.928178
XLOC_015619	AZI2	chr3:28363843-28390618	15.571	16.7756	0.1075	0.917559
XLOC_023834	ELK1	chrX:47494918-47510003	27.3434	29.4598	0.107553	0.894866
XLOC_010779	FXYD5	chr19:35645624-35660788	460.505	496.164	0.107601	0.89325
XLOC_000768	LAMTOR2	chr1:156024516-156028301	93.0622	100.273	0.107673	0.897031
XLOC_000277	ZMYM4	chr1:35734567-35887545	3.37887	3.64085	0.107737	0.897319
XLOC_018387	SH3BGR2	chr6:80340999-80413369	1.38016	1.48718	0.107742	0.926488
XLOC_012434	PLEKHB2	chr2:131862419-131907425	36.165	38.9693	0.107744	0.889403
XLOC_010016	TBC1D16	chr17:77906141-78009657	4.61681	4.9748	0.107744	0.91609
XLOC_009814	HOXB2	chr17:46620018-46622393	20.1689	21.7331	0.107766	0.911227
XLOC_013868	RRBP1	chr20:17594322-17662928	15.8582	17.0885	0.107797	0.897319
XLOC_009438	KIAA0753	chr17:6481644-6554954	2.30113	2.47992	0.107957	0.976134

XLOC_010450	C19orf24	chr19:1275519-1279243	113.877	122.729	0.108001	0.891828
XLOC_021783	ZNF707	chr8:144766621-144777555	8.89478	9.58628	0.108011	0.917354
XLOC_022814	FAM214B	chr9:35104117-35115893	3.90294	4.20685	0.108178	0.922274
XLOC_001231	CEP104	chr1:3728644-3773797	3.23783	3.48998	0.108191	0.906423
XLOC_014571	SMCR7L	chr22:39898283-39914137	9.49244	10.2321	0.108246	0.890489
XLOC_010673	BABAM1	chr19:17378231-17390162	52.1295	56.192	0.108265	0.890282
XLOC_018019	DUSP22	chr6:292100-351355	12.1558	13.1038	0.108335	0.916324
XLOC_012676	MRPL44	chr2:224822120-224832431	26.2261	28.2729	0.108419	0.88809
XLOC_010482	NFIC	chr19:3359560-3469215	9.0272	9.73175	0.10842	0.891828
XLOC_017557	LPCAT1	chr5:1461541-1524076	28.7544	30.9988	0.10843	0.890882
XLOC_003908	FAM118B	chr11:126081618-126138877	6.2416	6.72886	0.108447	0.970185
XLOC_005633	NR2C1	chr12:95414004-95467404	5.13917	5.54122	0.10867	0.910997
XLOC_006899	ACYP1	chr14:75519927-75530736	12.7445	13.7421	0.108722	0.929057
XLOC_021328	C7orf49	chr7:134832765-134855578	20.6664	22.2842	0.108734	0.904125
XLOC_022995	IKBKAP	chr9:111629799-111696608	4.64363	5.00743	0.108817	0.898467
XLOC_012690	CAB39	chr2:231577556-231685790	9.07361	9.78505	0.108902	0.891309
XLOC_017393	NDFIP1	chr5:141488323-141534008	26.2368	28.2943	0.108919	0.88839
XLOC_018172	ABCF1	chr6:30539169-30559309	13.0722	14.0973	0.10892	0.893674
XLOC_001198	CPSF3L	chr1:1243993-1260067	83.8593	90.4382	0.108961	0.908161
XLOC_002514	NUDT13	chr10:74870209-74891581	0.824614	0.889307	0.108963	0.951272
XLOC_005448	SLC11A2	chr12:51373565-51422058	6.69495	7.22024	0.108973	0.903596
XLOC_011326	SH3GL1	chr19:4360363-4400565	64.2163	69.2579	0.109039	0.887394
XLOC_003413	HSD17B12	chr11:43702142-43878169	26.0897	28.1395	0.109115	0.887223
XLOC_017367	PCDHA1,PCDHA1	chr5:140165875-140391929	0.14113	0.15222	0.109133	1
XLOC_003602	ZFPL1	chr11:64851693-64856542	36.6022	39.4786	0.109142	0.896977
XLOC_018038	RREB1	chr6:7107829-7252213	2.77687	2.99517	0.109176	0.905839
XLOC_016687	FAM184B	chr4:17633708-17783135	0.164638	0.177583	0.1092	1
XLOC_001449	LSM10	chr1:36859030-36863493	59.725	64.4277	0.109347	0.89325
XLOC_011470	STX10	chr19:13254871-13261188	88.6183	95.5967	0.109357	0.889122
XLOC_013703	NCOA3	chr20:46130600-46285621	1.30436	1.40709	0.109364	0.914371
XLOC_014687	RTN4R	chr22:20228937-20255816	15.1969	16.3939	0.109379	0.912385
XLOC_009639	MYO19	chr17:34842472-34891305	12.1693	13.1279	0.109399	0.952184
XLOC_001355	FUCA1	chr1:24171571-24194859	7.70061	8.30775	0.109486	0.906423
XLOC_012648	BCS1L	chr2:219524378-219528166	26.4012	28.4835	0.109523	0.896541
XLOC_013954	SOGA1	chr20:35405844-35492087	0.42245	0.455801	0.109624	0.954535
XLOC_009605	UTP6	chr17:30190189-30228729	20.6092	22.237	0.109669	0.889889
XLOC_023847	OTUD5	chrX:48779302-48815648	23.1943	25.0264	0.109676	0.890806
XLOC_003445	NDUFS3	chr11:47586981-47606115	98.5369	106.329	0.109798	0.928348
XLOC_007479	OTUD7A	chr15:31775328-31947542	0.134161	0.144773	0.109829	1
XLOC_017688	NAIP	chr5:70264309-70320941	0.494872	0.534028	0.10986	0.94188
XLOC_008627	ACD	chr16:67679029-67694718	36.5409	39.4326	0.109877	0.891105
XLOC_006191	STK24	chr13:99102454-99229396	35.3075	38.1025	0.109911	0.886468
XLOC_020726	ARF5	chr7:127228405-127231759	290.256	313.242	0.109954	0.890489
XLOC_008653	ST3GAL2	chr16:70413337-70472991	3.59995	3.88513	0.109985	0.915693
XLOC_000179	LYPLA2	chr1:24117645-24122029	95.851	103.447	0.110031	0.88552
XLOC_018180	GTF2H4	chr6:30875976-30881880	27.1199	29.2691	0.110031	0.897319
XLOC_002555	CCSER2	chr10:86088409-86278276	1.67812	1.81113	0.110044	0.908026
XLOC_009009	AATF	chr17:35306174-35414171	48.2629	52.0904	0.110101	0.883608
XLOC_015845	TOMM70A	chr3:100082302-100175170	18.8874	20.3897	0.110419	0.891086

XLOC_012629	ATIC	chr2:216176678-216214496	70.3519	75.9494	0.11045	0.886094
XLOC_003723	UVRAG	chr11:75526211-75855282	1.49233	1.61115	0.110525	0.920543
XLOC_003090	ERLIN1	chr10:101909846-101945814	13.64	14.7261	0.11054	0.890301
XLOC_022691	TUBB4B	chr9:140135710-140142222	781.333	843.652	0.110711	0.894866
XLOC_003164	TIAL1	chr10:121332977-121356541	16.836	18.1792	0.110734	0.886331
XLOC_010590	LDLR	chr19:11200037-11244505	12.5447	13.5457	0.110758	0.887788
XLOC_018990	RNGTT	chr6:89319988-89673348	2.83242	3.05871	0.110888	0.907845
XLOC_012025	ACP1	chr2:264868-278282	61.5579	66.4763	0.110897	0.884031
XLOC_000499	LRRRC8C	chr1:90098643-90185094	3.6572	3.94952	0.11094	0.896489
XLOC_002715	ENO4	chr10:118609022-118642112	0.169278	0.182809	0.110948	1
XLOC_000289	ZC3H12A	chr1:37940118-37949978	3.65134	3.94361	0.11109	0.926243
XLOC_021963	WHSC1L1	chr8:38132560-38239790	4.59898	4.96721	0.111123	0.900642
XLOC_001746	WARS2	chr1:119573838-119683295	5.11314	5.52282	0.111194	0.903596
XLOC_000917	MR1	chr1:181002560-181031074	1.19268	1.28844	0.11142	0.91671
XLOC_009373	MYO1C	chr17:1367479-1396001	45.0327	48.6514	0.111508	0.883915
XLOC_008611	NAE1	chr16:66836780-66864879	44.959	48.5718	0.111508	0.886331
XLOC_012330	EIF5B	chr2:99953833-100016728	16.1329	17.4296	0.111529	0.886468
XLOC_016245	CPEB2	chr4:15004297-15071777	0.156057	0.168605	0.111572	1
XLOC_001072	CNIH4	chr1:224544594-224563695	128.389	138.724	0.111697	0.884031
XLOC_000462	RABGGTB	chr1:76251878-76260775	61.4142	66.3612	0.111767	0.887299
XLOC_022226	SCRIB	chr8:144873089-144897549	34.9805	37.799	0.111797	0.883608
XLOC_004110	E2F8	chr11:19245609-19263202	0.989536	1.06929	0.111832	0.935766
XLOC_018531	GPR126	chr6:142623055-142767403	2.48498	2.68528	0.111839	0.902445
XLOC_003161	SFXN4	chr10:120900424-120925204	53.1109	57.3959	0.111939	0.884031
XLOC_018264	MAPK13	chr6:36098260-36112301	17.0566	18.4369	0.112259	0.887789
XLOC_012983	TPRKB	chr2:73956956-73964517	45.5415	49.2277	0.112288	0.89301
XLOC_003956	TOLLIP	chr11:1295597-1330892	24.2837	26.2518	0.112429	0.885883
XLOC_023367	EBP	chrX:48380163-48387104	61.0297	65.9794	0.112505	0.887676
XLOC_023288	PDHA1	chrX:19362010-19533379	29.6526	32.0578	0.112517	0.885501
XLOC_004162	ARHGAP1	chr11:46698624-46722215	18.5824	20.0901	0.11255	0.885501
XLOC_000454	HHLA3	chr1:70820492-70833705	30.6966	33.1884	0.112596	0.901684
XLOC_018741	DHX16	chr6:30614815-30640830	17.14	18.5322	0.112663	0.912921
XLOC_018314	TJAP1	chr6:43445260-43474294	16.5427	17.8865	0.112679	0.887055
XLOC_020665	SERPINE1	chr7:100770369-100782547	427.651	462.422	0.112776	0.890806
XLOC_006025	LATS2	chr13:21547175-21635722	3.38511	3.66054	0.112852	0.902497
XLOC_000041	ARHGEF16	chr1:3371146-3397677	12.9473	14.001	0.112871	0.894574
XLOC_021254	SYPL1	chr7:105730813-105753093	45.5044	49.2078	0.11288	0.883608
XLOC_023700	TMEM187	chrX:153237990-153248646	7.32962	7.9268	0.112999	0.926251
XLOC_009669	ORMDL3	chr17:38077295-38083884	16.0731	17.3826	0.113	0.890882
XLOC_005697	VPS29	chr12:110929329-110939916	46.694	50.5025	0.113118	0.885767
XLOC_018498	ENPP3	chr6:131958441-132068550	0.00436117	0.00471699	0.11315	1
XLOC_005425	ARF3	chr12:49329991-49351252	42.3766	45.8349	0.113178	0.883344
XLOC_021943	TMEM66	chr8:29920257-30108213	54.8759	59.3547	0.11319	0.913979
XLOC_016659	GRPEL1	chr4:7061779-7069800	65.703	71.0711	0.113304	0.882843
XLOC_002366	TMEM236	chr10:18041226-18089854	0.0483497	0.0523	0.113304	1
XLOC_008197	TANGO6	chr16:68877508-69119085	2.59349	2.80541	0.113319	0.905839
XLOC_008751	SERPINF2	chr17:1646129-1658559	0.147855	0.159937	0.11332	1
XLOC_021348	SLC37A3	chr7:140033551-140098311	10.0098	10.8282	0.113389	0.888541
XLOC_017394	ARHGAP26	chr5:142150291-142608572	0.387795	0.419505	0.113392	0.935829

XLOC_017725	TMEM167A	chr5:82348664-82373272	7.41059	8.01776	0.113612	0.884203
XLOC_004174	CELF1	chr11:47487488-47574792	18.7596	20.2967	0.113616	0.893268
XLOC_004257	FTH1	chr11:61717355-61735132	594.358	643.108	0.113728	0.883517
XLOC_016529	TMEM184C	chr4:148538538-148556672	3.67908	3.98092	0.113754	0.906934
XLOC_012376	TMEM87B	chr2:112812799-112876895	3.05117	3.30177	0.113878	0.899929
XLOC_011281	UQCR11	chr19:1597153-1605483	79.1385	85.6402	0.113909	0.881102
XLOC_022513	PRPF4	chr9:116037913-116055185	16.435	17.7873	0.114072	0.88681
XLOC_008396	NMRAL1	chr16:4511694-4560348	35.9411	38.8987	0.114086	0.942091
XLOC_002114	UBE2T	chr1:202300784-202311094	45.0925	48.8033	0.114093	0.886331
XLOC_005534	PRIM1	chr12:57125363-57146146	13.0369	14.1104	0.114163	0.899621
XLOC_006928	EFCAB11	chr14:90263468-90421089	11.9826	12.9694	0.114174	0.921553
XLOC_008108	LPCAT2	chr16:55542912-55620582	1.8202	1.97012	0.114186	0.907829
XLOC_010098	MYL12B	chr18:3262110-3278282	552.475	598.021	0.114286	0.884911
XLOC_018930	ICK	chr6:52866097-52926600	1.90392	2.06091	0.11431	0.907121
XLOC_009615	NLE1	chr17:33458367-33469322	35.6907	38.6358	0.114392	0.888541
XLOC_015000	CMTM8	chr3:32280170-32411813	15.0468	16.2888	0.114419	0.907499
XLOC_020904	FTSJ2	chr7:2273925-2281833	17.0465	18.4552	0.114557	0.889065
XLOC_014024	TMEM189, TMEM1	chr20:48697660-48770335	78.9305	85.4586	0.114644	0.883608
XLOC_017193	HMGCR	chr5:74632992-74657926	5.11029	5.53305	0.11467	0.891086
XLOC_004607	MSANTD2	chr11:124636393-124670299	1.52558	1.65184	0.114712	0.940466
XLOC_018051	TMEM14B	chr6:10747994-10757214	89.5511	96.964	0.114737	0.881798
XLOC_014644	PPP6R2	chr22:50781745-50913464	12.384	13.4099	0.114822	0.934604
XLOC_015937	LOC653712	chr3:128580350-128590384	0.221459	0.239814	0.114872	1
XLOC_000242	ZCCHC17	chr1:31769841-31837780	14.0235	15.1864	0.114933	0.891976
XLOC_001883	KRTCAP2	chr1:155141883-155145804	355.444	384.925	0.114953	0.87935
XLOC_005774	EIF2B1	chr12:124105569-124147151	13.3719	14.4813	0.114985	0.940964
XLOC_003180	CTBP2	chr10:126676417-126849624	13.8339	14.9817	0.114993	0.881798
XLOC_012247	DGUOK	chr2:74153952-74186088	59.8844	64.8542	0.11502	0.884031
XLOC_004799	DNM1L	chr12:32832136-32898584	10.5728	11.4507	0.115069	0.882669
XLOC_023191	ANAPC2	chr9:140069235-140084822	27.7241	30.026	0.115073	0.952184
XLOC_008476	PALB2	chr16:23614482-23652678	3.2087	3.47524	0.115122	0.900837
XLOC_010394	VPS4B	chr18:61056424-61089752	8.93749	9.68001	0.115139	0.889871
XLOC_017358	SLC35A4	chr5:139944419-139948683	24.1259	26.1311	0.115184	0.881798
XLOC_018382	LOC100506804	chr6:75994729-76001580	0.154543	0.167399	0.115287	1
XLOC_015626	UBP1	chr3:33429828-33481897	16.3123	17.6698	0.115327	0.880754
XLOC_020496	CCT6A	chr7:56119377-56131682	89.5561	97.0139	0.1154	0.880754
XLOC_022236	DGAT1	chr8:145515269-145550567	31.2786	33.8835	0.115405	0.946581
XLOC_012802	NT5C1B, NT5C1B	chr2:18735988-18770846	10.7214	11.6149	0.115491	0.898467
XLOC_021669	OTUD6B	chr8:92082423-92099323	4.02897	4.36484	0.115517	0.902527
XLOC_012545	DNAJC10	chr2:183580767-183644750	6.46295	7.00175	0.115521	0.884031
XLOC_005138	GATC	chr12:120884240-120907558	7.86169	8.51728	0.115553	0.970185
XLOC_001451	MRPS15	chr1:36921361-36930040	115.512	125.146	0.115575	0.87832
XLOC_017985	NHP2	chr5:177576464-177580961	233.939	253.465	0.115656	0.879376
XLOC_012153	PKDCC	chr2:42275160-42285668	6.94671	7.52675	0.115697	0.907121
XLOC_000228	ATPIF1	chr1:28562601-28564616	278.417	301.668	0.115717	0.885501
XLOC_010214	LOC100505549	chr18:55297533-55470327	1.00287	1.08663	0.115737	0.948062
XLOC_007336	MORF4L1	chr15:79165122-79190081	71.7854	77.7859	0.115817	0.879418
XLOC_014737	TPST2	chr22:26921713-26986089	14.7202	15.9508	0.115828	0.895795
XLOC_012712	C2orf82	chr2:233734993-233741107	4.17702	4.52635	0.115874	0.965041

XLOC_008562	ABCC11	chr16:48200821-48269088	0.0204576	0.0221724	0.116127	1
XLOC_008735	FANCA	chr16:89773540-89883065	6.31755	6.84733	0.116175	0.953159
XLOC_012949	C1D	chr2:68269331-68290159	20.276	21.9777	0.116264	0.890882
XLOC_021967	TM2D2	chr8:38846326-38854041	8.94607	9.69721	0.116315	0.886331
XLOC_017095	SUB1	chr5:32585604-32604185	27.4088	29.711	0.116358	0.877848
XLOC_000814	NCSTN	chr1:160258376-160328742	22.3968	24.2784	0.116378	0.942918
XLOC_013011	TGOLN2	chr2:85545140-85555419	13.8196	14.9808	0.116398	0.880754
XLOC_022645	WDR5	chr9:137001209-137025094	42.0354	45.5681	0.116418	0.878725
XLOC_012895	PREPL	chr2:44502596-44589001	4.53344	4.91444	0.11642	0.888541
XLOC_014961	TMEM43	chr3:14166439-14185180	16.3099	17.6811	0.116468	0.882181
XLOC_020637	ZKSCAN1	chr7:99613218-99635403	2.04296	2.2148	0.116517	0.900639
XLOC_008481	NSMCE1	chr16:27236314-27301789	76.429	82.8579	0.116521	0.878705
XLOC_012117	WDR43	chr2:29117532-29171080	21.9002	23.7424	0.116524	0.876679
XLOC_011482	LPHN1	chr19:14247963-14316997	12.1735	13.1978	0.116556	0.879055
XLOC_023112	ASB6	chr9:132388434-132404448	37.3195	40.4612	0.116612	0.916789
XLOC_015622	CMTM6	chr3:32522803-32544403	13.4006	14.5289	0.116624	0.879418
XLOC_002568	MINPP1	chr10:89264222-89313218	6.65015	7.21018	0.116647	0.899607
XLOC_001377	GPN2	chr1:27205872-27216869	26.0115	28.2025	0.116676	0.889422
XLOC_012752	SEPT2	chr2:242166681-242293441	43.0804	46.7129	0.116788	0.931668
XLOC_011590	PEPD	chr19:33877854-34012799	40.5076	43.9257	0.116873	0.879418
XLOC_014675	CLTCL1	chr22:19166986-19279239	1.61604	1.75246	0.116918	0.911326
XLOC_010171	MAPRE2	chr18:32556891-32723432	2.86097	3.10277	0.117053	0.905545
XLOC_021488	INTS10	chr8:19674917-19709586	25.912	28.1023	0.117068	0.877776
XLOC_022048	JPH1	chr8:75146938-75233562	2.60563	2.82593	0.117091	0.907121
XLOC_021249	LOC100216545	chr7:104650988-104654588	1.71067	1.85534	0.11712	0.927985
XLOC_024104	ZNF75D	chrX:134419722-134429965	1.07388	1.16475	0.11718	0.933369
XLOC_009516	CDRT1	chr17:15491976-15523018	0.0442054	0.0479486	0.117266	1
XLOC_014898	ALG12	chr22:50296853-50312106	5.63265	6.10984	0.117322	0.909209
XLOC_014642	TRABD	chr22:50624359-50638027	54.1282	58.7143	0.117331	0.87763
XLOC_003892	TBRG1	chr11:124492741-124564687	4.36697	4.73699	0.117336	0.934331
XLOC_003859	HMBS	chr11:118955586-118964259	23.223	25.1912	0.117366	0.883608
XLOC_004641	CCDC77	chr12:389222-551806	3.15182	3.41912	0.117443	0.963969
XLOC_003381	DNAJC24	chr11:31391376-31531169	2.76238	2.99678	0.117501	0.921553
XLOC_020626	ARPC1A	chr7:98923495-98963885	116.142	126	0.117532	0.879055
XLOC_007293	CD276	chr15:73976621-74006859	22.8199	24.7586	0.117641	0.879418
XLOC_021353	MRPS33	chr7:140705960-140714781	29.5617	32.0734	0.117646	0.89536
XLOC_022493	FSD1L	chr9:108210314-108311385	1.173	1.27274	0.11774	0.970185
XLOC_006272	TOX4	chr14:21945334-21979457	9.76772	10.5988	0.11781	0.909226
XLOC_013857	MKKS	chr20:10385427-10414887	12.3075	13.3551	0.11785	0.887789
XLOC_022940	BICD2	chr9:95473644-95527083	9.70866	10.5352	0.117872	0.881554
XLOC_018653	DTNBP1	chr6:15523031-15663289	20.1287	21.8424	0.117879	0.890564
XLOC_004329	AP5B1	chr11:65541368-65548062	7.49354	8.13238	0.118031	0.88143
XLOC_016101	CRYGS	chr3:186256231-186262167	1.74521	1.89406	0.118077	0.952184
XLOC_013030	RGPD1,RGPD2	chr2:88047605-88285309	0.00191842	0.00208207	0.118104	1
XLOC_005599	PAWR	chr12:79985744-80084790	15.25	16.5515	0.118154	0.885904
XLOC_015474	EIF2B5	chr3:183852809-183863099	20.4206	22.1636	0.118164	0.878705
XLOC_004355	CORO1B	chr11:67205517-67211292	125.033	135.707	0.118183	0.879418
XLOC_013866	KIF16B	chr20:16252748-16554079	1.43097	1.5532	0.118255	0.913887
XLOC_008777	GLTPD2	chr17:4692253-4693884	0.440753	0.478409	0.118273	0.981543

XLOC_005150	TMEM120B	chr12:122150657-122231594	6.77943	7.35889	0.118324	0.965956
XLOC_022569	SLC2A8	chr9:130159416-130170170	24.5696	26.6708	0.118388	0.884507
XLOC_008211	DDX19B	chr16:70323669-70380650	10.9586	11.8959	0.118399	0.895596
XLOC_011730	CADM4	chr19:44126521-44143991	11.9627	12.9861	0.118432	0.895686
XLOC_004209	SSRP1	chr11:57093458-57103351	104.176	113.091	0.118455	0.878705
XLOC_009340	HGS	chr17:79650961-79669151	80.6425	87.5439	0.118467	0.87748
XLOC_014911	SYCE3	chr22:50989540-51001328	0.54477	0.591433	0.118568	0.981441
XLOC_023100	TRUB2	chr9:131071395-131084697	68.9049	74.8073	0.118573	0.876679
XLOC_017104	SPEF2	chr5:35617988-35814713	0.55764	0.605433	0.118634	0.945416
XLOC_008167	CBFB	chr16:67063049-67134958	16.3675	17.7705	0.118646	0.877022
XLOC_012257	HTRA2	chr2:74753774-74784678	18.1081	19.6607	0.118683	0.971768
XLOC_005767	PITPNM2	chr12:123468026-123594975	2.5371	2.75467	0.118702	0.906423
XLOC_016995	SH3RF1	chr4:170015406-170192249	1.81426	1.96988	0.11873	0.908098
XLOC_019204	PSMB1	chr6:170844203-170862417	213.827	232.175	0.118769	0.876838
XLOC_000859	MPZL1	chr1:167691186-167761156	14.3236	15.5527	0.118778	0.8783
XLOC_005616	DUSP6	chr12:89741836-89746296	18.6607	20.2642	0.118932	0.880754
XLOC_008939	SUPT6H	chr17:26989301-27029249	16.7099	18.1458	0.11894	0.875256
XLOC_002314	GTPBP4	chr10:1034348-1063708	53.4739	58.0696	0.118949	0.873257
XLOC_011617	POLR2I	chr19:36602104-36616849	92.1924	100.12	0.119004	0.938071
XLOC_017392	RNF14	chr5:141346401-141369856	5.42066	5.88719	0.119111	0.886331
XLOC_007397	ZNF710	chr15:90544751-90625432	7.42477	8.06388	0.119129	0.885883
XLOC_000891	DARS2	chr1:173793796-173827682	5.9609	6.47404	0.119134	0.884031
XLOC_001656	TMED5	chr1:93615298-93646246	7.64167	8.29994	0.119213	0.876679
XLOC_002216	LIN9	chr1:226418849-226497449	1.71568	1.8636	0.119306	0.919354
XLOC_011190	ZNF524	chr19:56111729-56114504	26.4833	28.7665	0.11931	0.900483
XLOC_014242	BTG3	chr21:18965967-18985268	26.0763	28.3278	0.11948	0.879418
XLOC_007875	DNASE1L2	chr16:2286467-2288712	1.98765	2.15935	0.119533	0.950837
XLOC_014851	PMM1	chr22:41972889-41985871	51.8995	56.3837	0.119557	0.879418
XLOC_004059	C11orf16	chr11:8932700-8954553	0.0256684	0.0278863	0.119565	1
XLOC_020470	OGDH	chr7:44646120-44748669	6.8832	7.47801	0.119575	0.880754
XLOC_016203	LOC93622	chr4:6675820-6677774	20.774	22.5695	0.119601	0.887676
XLOC_006064	N4BP2L2	chr13:33006929-33112936	12.8598	13.9731	0.119778	0.896541
XLOC_009466	TP53	chr17:7571719-7606820	24.6638	26.7993	0.1198	0.907121
XLOC_018028	RIPK1	chr6:3077057-3115421	6.11989	6.64982	0.119808	0.880754
XLOC_008394	TFAP4	chr16:4307186-4323001	15.9622	17.3445	0.119822	0.889253
XLOC_022347	CLTA	chr9:36190852-36212059	266.399	289.472	0.119834	0.878705
XLOC_010368	MBD1	chr18:47793251-47808144	14.1522	15.3785	0.119887	0.880513
XLOC_016861	TRMT10A	chr4:100467863-100485189	0.540175	0.587044	0.120042	0.939929
XLOC_018136	ZNF165	chr6:28048481-28057340	8.23615	8.95095	0.12007	0.891513
XLOC_022162	FBXO32	chr8:124510126-124553493	1.7919	1.94743	0.120081	0.895596
XLOC_002654	BTRC	chr10:103113789-103317078	2.69824	2.93245	0.120092	0.890882
XLOC_020492	LANCL2	chr7:55433140-55501435	2.45252	2.66567	0.120234	0.906423
XLOC_003143	DCLRE1A	chr10:115594482-115614163	2.6061	2.83265	0.120264	0.897319
XLOC_008813	TNK1	chr17:7284292-7307450	9.24072	10.0441	0.12027	0.96645
XLOC_020892	PRKAR1B	chr7:588833-826116	18.6472	20.2686	0.120288	0.934861
XLOC_023121	UCK1	chr9:134378288-134406662	42.7396	46.4576	0.120342	0.909209
XLOC_016018	DHX36	chr3:153993456-154042286	6.65038	7.22898	0.120356	0.880754
XLOC_009297	SPHK1	chr17:74380689-74383941	218.911	237.967	0.120415	0.874955
XLOC_003772	PIWIL4	chr11:94300473-94354587	0.422024	0.458801	0.120544	0.947795

XLOC_009990	RHBDF2	chr17:74466974-74497509	5.68277	6.17825	0.120604	0.904905
XLOC_009380	TLCD2	chr17:1606083-1613662	1.41764	1.54128	0.120636	0.908677
XLOC_006089	MRPS31	chr13:41303431-41345347	8.61112	9.36221	0.120648	0.898873
XLOC_006369	C14orf101	chr14:57046510-57116232	3.36778	3.66157	0.120664	0.898718
XLOC_017836	CDC23	chr5:137514416-137549032	8.08511	8.79068	0.120707	0.926279
XLOC_012015	MZF1	chr19:59070552-59086164	11.7641	12.7909	0.120725	0.900642
XLOC_018352	FBXO9	chr6:52929795-52965670	6.02553	6.55156	0.120749	0.880161
XLOC_008483	GTF3C1	chr16:27471933-27561251	6.44689	7.00994	0.1208	0.877848
XLOC_022792	UBAP2	chr9:33921690-34048947	6.65225	7.23338	0.120827	0.877776
XLOC_018893	MRPL14	chr6:44081372-44095191	118.103	128.423	0.120864	0.871443
XLOC_003567	TAF6L	chr11:62538774-62554813	10.4324	11.3442	0.120888	0.897423
XLOC_010464	DOT1L	chr19:2164147-2232577	7.16226	7.78836	0.120904	0.881554
XLOC_015526	FAM43A	chr3:194406621-194409766	3.24653	3.53045	0.120956	0.921904
XLOC_003713	SPCS2	chr11:74660291-74690076	25.5758	27.8127	0.120961	0.8761
XLOC_002331	RBM17	chr10:6130948-6159422	35.2359	38.3199	0.12105	0.872122
XLOC_016584	SPCS3	chr4:177241089-177253396	14.8707	16.1725	0.121076	0.872122
XLOC_012743	DUSP28	chr2:241499470-241503431	2.82944	3.07715	0.121079	0.944779
XLOC_022300	MTAP	chr9:21802634-21865969	32.2782	35.1054	0.121131	0.875511
XLOC_008707	GIN52	chr16:85711279-85722588	24.1503	26.2661	0.121162	0.880612
XLOC_010635	LOC113230	chr19:14183820-14185874	3.87576	4.21534	0.12117	0.945416
XLOC_001640	GBP3	chr1:89472359-89488549	1.53963	1.67465	0.121271	0.917927
XLOC_006419	KIAA0247	chr14:70078309-70181861	1.71766	1.86837	0.121335	0.907875
XLOC_021184	TECPR1	chr7:97844754-97881563	4.84638	5.2717	0.121361	0.884621
XLOC_005737	PXN	chr12:120639093-120703574	106.415	115.761	0.121446	0.873477
XLOC_001317	EMC1	chr1:19542157-19578053	5.29394	5.759	0.121477	0.878705
XLOC_008178	FAM65A	chr16:67562716-67580691	18.5157	20.1431	0.12154	0.871053
XLOC_009183	ANKFN1	chr17:54230835-54560007	0.0763882	0.0831031	0.121551	1
XLOC_002109	CSRP1	chr1:201452657-201476387	90.0343	97.9558	0.121656	0.87834
XLOC_004801	ALG10B	chr12:38710556-38723528	0.499225	0.543162	0.121693	0.919354
XLOC_014962	LSM3	chr3:14220227-14239869	97.7971	106.406	0.12171	0.872122
XLOC_004962	SRGAP1	chr12:64238540-64541613	0.436737	0.475184	0.121722	0.927665
XLOC_011407	FBXL12	chr19:9920942-9929731	12.3187	13.4036	0.121771	0.88839
XLOC_010895	PRR19	chr19:42801184-42814973	7.00679	7.6244	0.12187	0.971768
XLOC_004669	CD9	chr12:6309481-6347437	268.104	291.737	0.121874	0.871443
XLOC_012094	KHK	chr2:27309610-27341995	6.04996	6.58386	0.122007	0.950837
XLOC_015285	ARGFX	chr3:121286777-121309469	0.00291814	0.00317572	0.122035	1
XLOC_013047	TMEM127	chr2:96915945-96931751	9.78281	10.6464	0.122051	0.876679
XLOC_014199	RRP1	chr21:45209417-45223983	51.6329	56.1915	0.122061	0.870873
XLOC_018624	SLC22A23	chr6:3269206-3456793	1.58939	1.72974	0.122076	0.908161
XLOC_017485	ATP6V0E1	chr5:172410762-172461900	203.671	221.659	0.1221	0.869513
XLOC_000037	FAM213B	chr1:2517898-2564481	19.805	21.5548	0.122146	0.886331
XLOC_008199	CIRH1A	chr16:69166498-69202937	37.0774	40.3544	0.122186	0.871443
XLOC_004400	COA4	chr11:73583712-73638781	101	109.927	0.122188	0.896541
XLOC_008187	NRN1L	chr16:67918780-67920271	0.34715	0.377854	0.122273	0.980648
XLOC_012577	C2orf47	chr2:200793633-200828847	18.9649	20.6425	0.122285	0.909496
XLOC_003216	PSMD13	chr11:236807-252984	109.584	119.278	0.122297	0.872122
XLOC_013506	HSPA12B	chr20:3713316-3733758	0.0858491	0.0934468	0.122342	1
XLOC_009481	SLC25A35	chr17:8191081-8198170	1.60361	1.74571	0.122487	0.979267
XLOC_002531	DLG5-AS1	chr10:79686569-79689583	0.714308	0.777619	0.122517	0.944099

XLOC_016871	UBE2D3	chr4:103717132-103790032	114.157	124.277	0.122547	0.869446
XLOC_014408	MRPL40	chr22:19420035-19423596	78.9873	86.0001	0.122718	0.875956
XLOC_008674	RFWD3	chr16:74655296-74700779	8.56842	9.32957	0.122782	0.874024
XLOC_005248	ZNF384	chr12:6775642-6798738	14.3859	15.6639	0.122791	0.878705
XLOC_008519	ZNF768	chr16:30535321-30537910	47.9608	52.2245	0.12287	0.86876
XLOC_021190	ATP5J2,ATP5J2-F	chr7:99006600-99063824	717.019	780.767	0.122881	0.930021
XLOC_007126	EMC4	chr15:34517244-34630265	89.5126	97.473	0.122912	0.879961
XLOC_005678	SART3	chr12:108915990-108955165	11.321	12.3285	0.122993	0.872122
XLOC_008575	AKTIP	chr16:53468350-53537170	5.82141	6.34002	0.123118	0.937373
XLOC_007305	CSK	chr15:75074424-75095539	71.6406	78.0311	0.123271	0.8709
XLOC_016378	EPGN	chr4:75174186-75182520	0.0200285	0.0218161	0.123341	1
XLOC_005792	POLE	chr12:133200347-133263945	5.64699	6.15112	0.123368	0.875573
XLOC_018082	MRS2	chr6:24403152-24425816	9.23109	10.0552	0.123369	0.877022
XLOC_021538	RBPMS	chr8:30239634-30429734	27.3718	29.8181	0.123495	0.895596
XLOC_023068	NR5A1	chr9:127243514-127269699	0.0374187	0.0407673	0.123654	1
XLOC_012522	SCRN3	chr2:175260456-175294303	1.40197	1.52748	0.123695	0.922274
XLOC_021462	MTMR9	chr8:11141999-11185654	1.17102	1.27597	0.12384	0.902527
XLOC_007861	SNHG9	chr16:2014996-2015505	59.4991	64.8337	0.123878	0.934331
XLOC_016595	CCDC111	chr4:185570766-185655286	2.22598	2.42557	0.123884	0.964476
XLOC_021674	RBM12B-AS1	chr8:94743730-94753224	0.931077	1.01456	0.123887	0.984084
XLOC_000651	BCL9	chr1:147013181-147098015	1.54815	1.68697	0.123888	0.902819
XLOC_016810	PAQR3	chr4:79839093-79860582	4.5698	4.9797	0.123928	0.885082
XLOC_013051	LMAN2L	chr2:97371666-97405813	6.33586	6.90484	0.124069	0.891772
XLOC_002227	TRIM11	chr1:228581376-228594517	19.6019	21.3628	0.124109	0.875256
XLOC_007848	UBE2I	chr16:1359153-1377019	78.5742	85.6333	0.124116	0.868932
XLOC_020778	TRIM24	chr7:138145078-138270332	3.68288	4.01391	0.124175	0.885883
XLOC_008956	NSRP1	chr17:28443824-28513493	7.92912	8.64186	0.124181	0.878182
XLOC_003574	RTN3	chr11:63448921-63527363	51.1683	55.7688	0.12421	0.870063
XLOC_011633	ZNF569	chr19:37902059-37958339	0.00746107	0.00813219	0.124261	1
XLOC_004859	KRT7	chr12:52626953-52642709	3.55247	3.87255	0.124464	0.933412
XLOC_015675	CCDC12	chr3:46963230-47051194	37.5525	40.9375	0.124515	0.92441
XLOC_012363	LIMS1	chr2:109150810-109303702	3.47688	3.79037	0.124547	0.889253
XLOC_007725	MTHFS,ST20,ST2	chr15:80135888-80217196	18.0317	19.6579	0.124567	0.935273
XLOC_018468	NUS1	chr6:117996616-118031886	11.2035	12.2139	0.124572	0.867824
XLOC_024184	HCFC1	chrX:153213007-153236819	8.5801	9.35427	0.12463	0.871195
XLOC_023589	SLC25A5	chrX:118599995-118605359	489.22	533.4	0.124735	0.872917
XLOC_005813	SPATA13	chr13:24734860-24881212	1.52499	1.66272	0.124745	0.89785
XLOC_018871	MED20	chr6:41873091-41888877	3.44853	3.76015	0.124807	0.900642
XLOC_010848	MED29	chr19:39881962-39891203	9.3465	10.1918	0.124908	0.878705
XLOC_008662	PHLPP2	chr16:71678851-71748704	1.3044	1.42253	0.125074	0.891309
XLOC_023169	NOTCH1	chr9:139388895-139440238	6.52675	7.11786	0.12508	0.872122
XLOC_004405	PGM2L1	chr11:74041360-74109502	0.39269	0.428276	0.125152	0.92475
XLOC_002682	GSTO1	chr10:106013951-106027222	649.672	708.68	0.125421	0.87419
XLOC_017904	CCDC69	chr5:150560612-150603654	3.90545	4.26043	0.12551	0.894684
XLOC_023008	KIAA0368	chr9:114122972-114247025	18.3807	20.0524	0.125582	0.864901
XLOC_018109	BTN2A2	chr6:26383323-26395100	2.91785	3.18353	0.125723	0.902869
XLOC_013635	C20orf24,TGIF2,T	chr20:35201875-35274619	80.8807	88.2484	0.125774	0.890095
XLOC_022586	URM1	chr9:131133597-131154295	73.6028	80.3087	0.125796	0.869211
XLOC_019022	BEND3	chr6:107386384-107435636	1.39161	1.51843	0.12582	0.905903

XLOC_018319	VEGFA	chr6:43737945-43754223	22.011	24.0174	0.125859	0.876679
XLOC_003745	PRSS23	chr11:86511490-86522273	2.95413	3.22343	0.125863	0.896306
XLOC_000869	C1orf112	chr1:169764549-169863100	2.88554	3.14866	0.125897	0.908098
XLOC_020641	CNPY4	chr7:99690403-99723128	1.70716	1.86286	0.125919	0.991637
XLOC_020849	REPIN1	chr7:150065878-150071133	104.843	114.406	0.125938	0.866944
XLOC_009012	TADA2A	chr17:35766976-35837226	3.87116	4.22432	0.125953	0.911712
XLOC_019157	DYNLT1	chr6:159057506-159065804	85.9805	93.8312	0.126058	0.866938
XLOC_004275	WDR74	chr11:62600382-62607628	60.5813	66.114	0.126082	0.865317
XLOC_015538	LOC152217	chr3:196669493-196670884	26.1585	28.5481	0.126112	0.876797
XLOC_007623	PPIB	chr15:64443915-64455354	629.275	686.778	0.126153	0.872122
XLOC_000255	EIF3I	chr1:32687970-32697205	236.925	258.581	0.126185	0.867947
XLOC_012535	AGPS	chr2:178257470-178408564	3.72174	4.0623	0.12632	0.872122
XLOC_024175	FAM58A	chrX:152853382-152864632	36.4636	39.8021	0.126384	0.874591
XLOC_011461	PRDX2	chr19:12907633-12912694	560.606	611.984	0.126507	0.865004
XLOC_017421	HMGXB3	chr5:149372685-149432706	14.7161	16.0652	0.126547	0.869722
XLOC_012248	TET3	chr2:74273449-74335302	1.06249	1.15992	0.126584	0.897659
XLOC_022662	PMPCA	chr9:139305115-139318213	136.262	148.763	0.126632	0.867969
XLOC_013507	CDC25B	chr20:3776400-3786761	20.2551	22.1136	0.126647	0.869189
XLOC_008081	ZNF720	chr16:31724549-31772886	2.17445	2.37397	0.126654	0.906423
XLOC_011158	PRPF31	chr19:54610319-54635150	48.2136	52.6402	0.126725	0.875956
XLOC_010565	PIN1	chr19:9945882-9960365	87.7105	95.7666	0.126773	0.867053
XLOC_015481	PSMD2	chr3:184017021-184026840	315.437	344.435	0.126878	0.871074
XLOC_002544	LINC00857	chr10:81967465-81979413	1.02744	1.12191	0.126896	0.937886
XLOC_017109	WDR70	chr5:37379411-37752774	8.96451	9.78885	0.126914	0.879055
XLOC_008745	RNMTL1	chr17:662548-695741	28.6418	31.2774	0.126999	0.926251
XLOC_011299	LMNB2	chr19:2428162-2456966	42.7951	46.7349	0.127053	0.861337
XLOC_013375	ATG9A	chr2:220084101-220094361	23.3597	25.514	0.127268	0.865746
XLOC_016561	TMA16	chr4:164415672-164441691	11.3663	12.4146	0.127274	0.879055
XLOC_009411	ZZEF1	chr17:3907738-4046253	1.71615	1.87451	0.127344	0.882208
XLOC_005183	FLJ37505	chr12:128366161-128383184	0.00715157	0.00781153	0.127345	1
XLOC_007999	PLK1	chr16:23690200-23724821	62.5959	68.3776	0.127456	0.864624
XLOC_005996	ATP11A	chr13:113344642-113541482	2.17947	2.38079	0.12746	0.881573
XLOC_016732	NFXL1	chr4:47849257-47916633	3.55661	3.88515	0.127467	0.881798
XLOC_013779	ARFGAP1	chr20:61904164-61921142	28.4603	31.0895	0.127478	0.862406
XLOC_014811	CARD10	chr22:37886399-37915210	7.0242	7.67319	0.127492	0.881554
XLOC_021708	DCAF13	chr8:104410865-104455680	49.4895	54.0634	0.127531	0.890489
XLOC_004180	NUP160	chr11:47799669-47870057	6.14263	6.71043	0.127548	0.863787
XLOC_017467	FBLL1	chr5:167956581-167957639	0.317564	0.346919	0.127552	1
XLOC_013272	TFPI	chr2:188328957-188419219	24.5103	26.7763	0.127572	0.897332
XLOC_012445	MGAT5	chr2:135011829-135212192	3.83545	4.19035	0.127675	0.86876
XLOC_014857	NAGA	chr22:42454337-42466846	11.6755	12.756	0.127695	0.869467
XLOC_011331	SEMA6B	chr19:4542599-4559771	17.5038	19.1239	0.127709	0.869345
XLOC_011733	KCNN4	chr19:44270684-44285409	18.0281	19.6975	0.127766	0.875956
XLOC_009571	PIGS	chr17:26880405-26898887	17.7915	19.4392	0.127779	0.869189
XLOC_004510	ALKBH8	chr11:107373452-107436461	0.979451	1.07023	0.127872	0.913887
XLOC_016896	C4orf21	chr4:113460488-113578748	0.532886	0.582276	0.127878	0.96074
XLOC_004386	LOC100133315	chr11:71576554-71639493	0.382284	0.417739	0.127959	0.964843
XLOC_002224	C1orf35	chr1:228288427-228291022	29.2941	32.011	0.127961	0.877848
XLOC_009102	ASB16	chr17:42248073-42264085	0.248053	0.27106	0.127964	1

XLOC_022727	NFIB	chr9:14081841-14398982	2.4323	2.65795	0.127993	0.877022
XLOC_018060	NOL7	chr6:13615558-13621127	113.982	124.557	0.128009	0.860285
XLOC_023609	BCORL1	chrX:129139163-129192058	2.5874	2.82766	0.12811	0.884031
XLOC_005591	CAPS2	chr12:75669758-75723836	0.047607	0.0520307	0.128189	1
XLOC_012422	UGGT1	chr2:128848753-128953249	3.5805	3.91324	0.128206	0.862165
XLOC_017294	LMNB1	chr5:126112314-126172712	10.1376	11.0805	0.128314	0.875956
XLOC_022247	RECQL4	chr8:145736666-145743210	25.6648	28.0524	0.128336	0.864177
XLOC_009360	METRNL	chr17:81037566-81052591	57.9935	63.3894	0.128351	0.870439
XLOC_015712	C3orf62	chr3:49306029-49314508	2.62372	2.86784	0.128353	0.893931
XLOC_005344	RECQL	chr12:21590537-21654603	5.34234	5.83943	0.128356	0.915089
XLOC_001768	POLR3C	chr1:145592604-145610884	14.5728	15.9291	0.128387	0.869972
XLOC_017772	PGGT1B	chr5:114546526-114598569	4.03892	4.41482	0.128387	0.890489
XLOC_017433	G3BP1	chr5:151151475-151184915	35.6396	38.9575	0.128418	0.861598
XLOC_015342	DNAJC13	chr3:132136552-132257876	2.46363	2.69305	0.128453	0.877622
XLOC_009754	BECN1	chr17:40950853-40976310	19.6186	21.4457	0.128468	0.864624
XLOC_013303	LOC100507140	chr2:201560445-201658941	0.00888471	0.00971245	0.12851	1
XLOC_002056	TOR1AIP2	chr1:179809101-179846941	18.8937	20.655	0.128589	0.86221
XLOC_012168	CRIP1	chr2:46844324-46852881	7.3583	8.04432	0.128597	0.883517
XLOC_011329	PLIN5	chr19:4522543-4535208	1.23944	1.35502	0.128621	0.936215
XLOC_014984	UBE2E1	chr3:23847383-23933131	71.1499	77.7861	0.128653	0.864646
XLOC_002029	CENPL	chr1:173768687-173793777	3.87566	4.23721	0.128673	0.896977
XLOC_012792	E2F6	chr2:11584500-11606297	7.97939	8.72378	0.128674	0.872122
XLOC_003695	LRTOMT	chr11:71709957-71823822	1.22988	1.34462	0.12868	0.990368
XLOC_024177	BCAP31	chrX:152965946-152990201	236.075	258.102	0.128693	0.860285
XLOC_011040	MED25	chr19:50321535-50340237	20.6604	22.5888	0.128738	0.873236
XLOC_006065	MINOS1P1	chr13:33006929-33112936	0.0337368	0.0368879	0.128827	1
XLOC_016288	UBE2K	chr4:39699663-39784410	14.1151	15.4337	0.128848	0.860285
XLOC_004997	GLIPR1L1	chr12:75728462-75764169	0.0240794	0.026329	0.128854	1
XLOC_001901	SSR2	chr1:155978838-155990758	306.468	335.107	0.128887	0.8626
XLOC_002217	PARP1	chr1:226548391-226595801	25.5912	27.9828	0.128897	0.861029
XLOC_009366	GEMIN4	chr17:647660-655501	19.3752	21.1862	0.128911	0.864177
XLOC_015069	LARS2	chr3:45430074-45590328	5.65557	6.18442	0.128965	0.868221
XLOC_012624	CPS1	chr2:211342405-211543831	0.663232	0.725263	0.128992	0.925548
XLOC_004159	AMBRA1	chr11:46417961-46615619	5.57994	6.10193	0.129015	0.871917
XLOC_017438	LARP1	chr5:154092461-154197163	25.1053	27.4547	0.129064	0.8626
XLOC_001899	SCARNA4	chr1:155882835-155904188	1.97443	2.15924	0.129085	1
XLOC_014826	FAM227A	chr22:38974124-39052634	0.180119	0.196984	0.129128	1
XLOC_013873	RBBP9	chr20:18467187-18477887	2.78052	3.04091	0.129147	0.886331
XLOC_009526	PLD6	chr17:17104308-17109646	13.7852	15.0763	0.129161	0.870397
XLOC_008375	CLDN6	chr16:3064712-3068188	0.112451	0.122992	0.129257	1
XLOC_002363	TMEM236	chr10:17794259-17842866	0.00658905	0.00720704	0.129338	1
XLOC_018441	SMPD2	chr6:109711417-109765122	10.9743	12.0037	0.12935	0.891772
XLOC_018075	E2F3	chr6:20402136-20493945	3.70549	4.05309	0.129355	0.880754
XLOC_023248	STS	chrX:7137471-7272682	0.252844	0.276579	0.129443	1
XLOC_022274	CD274	chr9:5450502-5470567	0.702966	0.768977	0.129485	0.928548
XLOC_000392	BTF3L4	chr1:52521856-52556388	14.7035	16.0843	0.12949	0.861774
XLOC_004663	NDUFA9	chr12:4758263-4796720	50.2581	54.9802	0.129555	0.86224
XLOC_005560	PPM1H	chr12:63037762-63328665	1.43864	1.57389	0.129629	0.894684
XLOC_010536	CAMSAP3	chr19:7660787-7683196	11.5899	12.6802	0.129721	0.871195

XLOC_002249	PCNXL2	chr1:233119881-233431459	1.06921	1.16985	0.12978	0.905839
XLOC_018846	CCDC167	chr6:37450696-37467700	20.5224	22.4542	0.129791	0.89785
XLOC_006679	TTC5	chr14:20757300-20774153	9.87676	10.8066	0.129798	0.879055
XLOC_006215	ARGLU1	chr13:107195661-107220514	38.3338	41.9445	0.129863	0.861774
XLOC_004319	ZNHIT2	chr11:64883874-64885170	25.3657	27.7551	0.129876	0.887375
XLOC_004617	SRPR	chr11:126081618-126138877	23.9751	26.2336	0.129879	0.879418
XLOC_011846	PTOV1-AS1	chr19:50341902-50363999	2.19656	2.40356	0.129926	0.97664
XLOC_007274	GLCE	chr15:69116302-69564544	1.01522	1.11093	0.129981	0.908707
XLOC_001631	BCL10	chr1:85731459-85743771	29.0173	31.7537	0.130012	0.862353
XLOC_020423	C7orf41	chr7:30174551-30202381	3.21694	3.52043	0.130063	0.875956
XLOC_016417	NUDT9	chr4:88343727-88380606	6.94907	7.6052	0.130165	0.876318
XLOC_021385	ZNF425	chr7:148799877-148823438	0.748707	0.819431	0.130221	0.935829
XLOC_007858	NUBP2	chr16:1832932-1839192	97.123	106.301	0.130266	0.86364
XLOC_008192	SLC7A6	chr16:68298418-68344868	4.74013	5.18853	0.130399	0.899998
XLOC_001447	EVA1B	chr1:36787631-36789755	26.0754	28.5423	0.13041	0.886622
XLOC_003391	LINC00294	chr11:33097695-33101000	2.62854	2.87721	0.13041	0.89785
XLOC_001905	SMG5	chr1:156219014-156252620	16.3101	17.8541	0.130496	0.860285
XLOC_015490	MAP3K13	chr3:185000728-185206882	9.07555	9.93497	0.13053	0.879418
XLOC_007581	LYSMD2	chr15:52015260-52043650	10.668	11.6783	0.130537	0.886581
XLOC_014406	DGCR10	chr22:19010136-19011063	0.0210484	0.0230426	0.130598	1
XLOC_017379	PCDHB10	chr5:140571951-140575213	0.363613	0.398066	0.130602	0.951272
XLOC_001968	USF1	chr1:161009040-161015769	19.8819	21.7662	0.130633	0.865521
XLOC_000258	HDAC1	chr1:32757707-32799224	61.661	67.5052	0.13064	0.860871
XLOC_014756	ASCC2	chr22:30184596-30234293	19.8434	21.7244	0.130659	0.865746
XLOC_001034	LINC00467	chr1:211556096-211605877	9.53122	10.4348	0.130673	0.901045
XLOC_005321	DUSP16	chr12:12626215-12715448	2.4759	2.71066	0.13069	0.879418
XLOC_002966	DNA2	chr10:70173820-70231730	0.912227	0.998727	0.130698	0.917306
XLOC_010568	C19orf66	chr19:10196805-10213425	7.84471	8.58892	0.130757	0.897319
XLOC_017454	FABP6	chr5:159614373-159665729	7.7213	8.45412	0.130811	0.922019
XLOC_001412	SNRNP40	chr1:31732414-31769644	38.26	41.8916	0.130827	0.861141
XLOC_001336	EIF4G3	chr1:21132784-21503381	3.36464	3.68419	0.130898	0.8709
XLOC_010999	SPHK2	chr19:49118583-49133663	8.93625	9.78533	0.130952	0.98003
XLOC_017153	CWC27	chr5:64064754-64314590	9.19628	10.0703	0.130981	0.871648
XLOC_013031	KRCC1	chr2:88326723-8835248	3.41009	3.73427	0.131017	0.907121
XLOC_007954	NPIP	chr16:15031299-15045931	46.2591	50.6591	0.131086	0.861774
XLOC_018840	STK38	chr6:36461668-36515247	4.77228	5.22638	0.131135	0.879418
XLOC_000298	MACF1	chr1:39547088-39952810	4.31876	4.72987	0.131183	0.860764
XLOC_010478	GNA15	chr19:3136190-3163766	7.39505	8.09905	0.131193	0.891735
XLOC_022609	GPR107	chr9:132815984-132902448	14.7703	16.1773	0.131272	0.861253
XLOC_023348	RBM10	chrX:47004616-47046214	35.7118	39.1149	0.131317	0.861253
XLOC_000216	WDTC1	chr1:27561006-27635124	1.03403	1.13264	0.131405	0.920543
XLOC_013322	GPR1	chr2:207040041-207082771	0.0518279	0.0567727	0.131469	1
XLOC_012254	TTC31	chr2:74699084-74721691	4.96474	5.43846	0.131479	0.94121
XLOC_022227	PUF60	chr8:144898513-144911556	204.88	224.431	0.131499	0.864199
XLOC_010596	PRKCSH	chr19:11546268-11561782	227.202	248.885	0.131504	0.858729
XLOC_011955	RDH13	chr19:55555691-55580914	8.63965	9.46422	0.13151	0.890563
XLOC_008954	ANKRD13B	chr17:27920526-27948441	8.85299	9.69856	0.131606	0.87763
XLOC_010559	ZNF317	chr19:9251055-9274091	9.38163	10.2786	0.131733	0.865746
XLOC_022464	FAM22G	chr9:99691285-99704572	0.10692	0.117158	0.131928	1

XLOC_021743	SQLE	chr8:126010719-126034525	16.6975	18.297	0.13197	0.860871
XLOC_009508	ELAC2	chr17:12692828-12921381	29.0582	31.8425	0.132006	0.863898
XLOC_014022	SPATA2	chr20:48519928-48532080	4.5416	4.97707	0.132095	0.880754
XLOC_014718	CHCHD10	chr22:24105207-24110141	315.203	345.436	0.132136	0.860285
XLOC_008683	CHST6	chr16:75507021-75528926	0.0245449	0.0269003	0.132197	1
XLOC_000929	RGL1	chr1:183605207-183897666	0.322859	0.353858	0.132266	1
XLOC_017976	PRR7-AS1	chr5:176853686-176883287	0.73466	0.8052	0.13227	0.990781
XLOC_002476	ADO	chr10:64564515-64568239	7.34168	8.04662	0.132274	0.867824
XLOC_009683	KRT10	chr17:38974368-38992526	14.6402	16.0461	0.132287	0.908707
XLOC_020780	TTC26	chr7:138818489-138874550	2.24807	2.46428	0.132483	0.908161
XLOC_001371	PAFAH2	chr1:26286257-26324648	3.12551	3.42611	0.132484	0.884031
XLOC_003050	FGFBP3	chr10:93666344-93669258	1.56823	1.7192	0.132604	0.923897
XLOC_021436	AGPAT5	chr8:6565877-6619021	9.40629	10.3119	0.13261	0.856226
XLOC_022028	COPS5	chr8:67955314-67974562	62.9276	68.9878	0.132649	0.854286
XLOC_010935	RELB	chr19:45504706-45541456	11.5688	12.6834	0.132704	0.882208
XLOC_022057	PAG1	chr8:81880045-82024303	0.066285	0.0726773	0.132822	1
XLOC_000461	ACADM	chr1:76190042-76229355	11.2084	12.2896	0.132854	0.865084
XLOC_000936	C1orf27	chr1:185703682-186446655	2.93438	3.21779	0.133015	0.956489
XLOC_007435	LRRK1	chr15:101459459-101610317	1.21022	1.32718	0.133096	0.899607
XLOC_010745	URI1	chr19:30414550-30507519	12.2586	13.4435	0.133107	0.859197
XLOC_005018	LOC338758	chr12:90102731-90105729	0.027112	0.0297347	0.133214	1
XLOC_008852	USP43	chr17:9548853-9633003	1.14235	1.25288	0.133253	0.920543
XLOC_008698	MBTPS1	chr16:84087368-84150517	14.7548	16.1826	0.133264	0.851662
XLOC_009653	CWC25	chr17:36956686-36981603	6.09281	6.68285	0.133356	0.874414
XLOC_000267	ZNF362	chr1:33722173-33766320	2.2808	2.50168	0.133363	0.910997
XLOC_018294	BYSL	chr6:41888964-41900784	36.6581	40.21	0.133422	0.854216
XLOC_006757	HEATR5A	chr14:31760993-31889788	0.780323	0.855991	0.133525	0.900642
XLOC_018178	DDR1	chr6:30851860-30867933	9.76366	10.7105	0.133535	0.871053
XLOC_001177	PGBD2	chr1:249200441-249213345	1.75327	1.92335	0.133571	0.918744
XLOC_023954	MAGT1	chrX:77081861-77151065	8.15277	8.94375	0.13359	0.861774
XLOC_022235	BOP1	chr8:145486055-145515120	71.8833	78.8608	0.133652	0.852016
XLOC_000192	LDLRAP1	chr1:25870075-25895377	8.69183	9.53558	0.133661	0.872122
XLOC_011033	SCAF1	chr19:50145381-50161906	16.1147	17.6799	0.133731	0.861472
XLOC_009969	GRB2	chr17:73314156-73401790	37.498	41.1404	0.133741	0.854706
XLOC_016836	KLHL8	chr4:88082213-88141674	1.42428	1.56273	0.133844	0.897332
XLOC_022037	LACTB2	chr8:71520811-71581447	16.2118	17.7892	0.133959	0.861006
XLOC_003593	CCDC88B	chr11:64107689-64125006	4.99568	5.48201	0.134024	0.879418
XLOC_012539	PLEKHA3	chr2:179059207-179672150	6.08743	6.68019	0.134057	0.944295
XLOC_015070	LIMD1	chr3:45636322-45730374	4.4727	4.90826	0.134064	0.891476
XLOC_017114	C7	chr5:40909598-40983042	0.00375811	0.00412418	0.1341	1
XLOC_010675	MRPL34	chr19:17416476-17417652	84.5828	92.8241	0.134136	0.852179
XLOC_011765	DMWD	chr19:46286263-46296060	9.90735	10.8731	0.13419	0.874289
XLOC_010938	PPP1R37	chr19:45596430-45650543	11.4662	12.586	0.134437	0.871053
XLOC_004326	MAP3K11	chr11:65365225-65381720	16.7497	18.3865	0.13451	0.863898
XLOC_003027	WAPAL	chr10:88195012-88281541	5.08338	5.58032	0.134559	0.859166
XLOC_001544	NRD1	chr1:52082545-52344609	22.4182	24.6102	0.134588	0.889046
XLOC_018635	CAGE1	chr6:7326886-7389942	0.0046927	0.00515192	0.134691	1
XLOC_016457	CYP2U1	chr4:108852716-108874613	1.92608	2.11457	0.134697	0.885235
XLOC_021860	PINX1	chr8:10622883-10697299	13.1129	14.3964	0.134729	0.879418

XLOC_001418	SPOCD1	chr1:32256024-32281580	12.1821	13.3748	0.134755	0.861472
XLOC_006198	ZIC5	chr13:100615274-100624178	1.37526	1.50993	0.13478	0.908132
XLOC_022277	MLANA	chr9:5890908-5909822	0.011139	0.0122304	0.134852	1
XLOC_005628	UBE2N	chr12:93802087-93836026	39.518	43.3918	0.134911	0.849035
XLOC_000759	FDPS	chr1:155278538-155300909	67.2194	73.8131	0.134999	0.89785
XLOC_010655	UCA1	chr19:15939756-15947131	11.9877	13.1639	0.135025	0.877296
XLOC_020785	LOC100134229	chr7:139877060-139879440	4.25134	4.6686	0.135074	0.89301
XLOC_006448	FCF1	chr14:75179849-75203390	11.13	12.2225	0.13508	0.866966
XLOC_022681	C9orf142	chr9:139886869-139888428	147.854	162.372	0.13513	0.848628
XLOC_016200	WFS1	chr4:6271576-6304992	12.6751	13.9203	0.1352	0.862733
XLOC_015134	ALAS1	chr3:52232098-52248343	29.5789	32.4864	0.135272	0.85025
XLOC_014250	LINC00515	chr21:26955086-26955536	0.267356	0.293639	0.135278	1
XLOC_015858	KIAA1524	chr3:108268717-108413693	1.95832	2.15085	0.135292	0.928178
XLOC_016634	LETM1	chr4:1813205-1857974	13.6071	14.9453	0.135333	0.852179
XLOC_001331	MUL1	chr1:20825940-20834674	17.9119	19.6743	0.135396	0.861382
XLOC_018819	LEMD2	chr6:33738989-33756906	25.2739	27.7622	0.135477	0.851874
XLOC_017889	CSNK1A1	chr5:148875456-148931115	31.5023	34.604	0.135483	0.844936
XLOC_008203	CYB5B	chr16:69458497-69500167	11.3582	12.4774	0.13558	0.851662
XLOC_018968	HMG3	chr6:79910961-79946517	24.0945	26.4687	0.135583	0.87748
XLOC_013226	METTL5	chr2:170655321-170681353	61.5093	67.5722	0.135626	0.931457
XLOC_013656	FAM83D	chr20:37554954-37581703	15.086	16.5734	0.135657	0.861141
XLOC_009740	RAB5C	chr17:40276993-40307062	74.9049	82.2935	0.135718	0.845446
XLOC_004854	ACVR1B	chr12:52345450-52390863	6.22253	6.83638	0.135732	0.861774
XLOC_010544	EVI5L	chr19:7895160-7929862	6.59625	7.24773	0.135884	0.879418
XLOC_015050	ZNF662	chr3:42947401-42960825	0.00270375	0.00297086	0.135921	1
XLOC_015679	ELP6	chr3:47537129-47555199	26.8992	29.5572	0.135945	0.859038
XLOC_013637	RPN2	chr20:35729628-35870025	77.2784	84.916	0.135971	0.848927
XLOC_021730	MTBP	chr8:121408082-121535875	2.42865	2.66885	0.136061	0.975492
XLOC_008589	CIAPIN1	chr16:57462086-57495187	23.5034	25.8312	0.136245	0.901045
XLOC_007519	INO80	chr15:41271078-41408340	3.2278	3.54778	0.136365	0.869513
XLOC_014307	DONSON	chr21:34949858-34961014	10.1481	11.1542	0.136386	0.861746
XLOC_000005	LOC643837	chr1:762970-794826	2.1418	2.3542	0.136412	0.886331
XLOC_023184	NPDC1	chr9:139933908-139940676	264.487	290.718	0.136423	0.851639
XLOC_011284	REXO1	chr19:1815244-1848452	14.7129	16.1736	0.136556	0.854752
XLOC_001748	ZNF697	chr1:120161999-120190390	1.71992	1.89077	0.136638	0.895596
XLOC_004950	OS9	chr12:58087737-58115340	58.767	64.6074	0.136693	0.849964
XLOC_012285	MRPL35	chr2:86426555-86440477	10.3537	11.3827	0.136696	0.872122
XLOC_011183	BRSK1	chr19:55795533-55823903	9.19116	10.1049	0.136741	0.871053
XLOC_020799	MTRNR2L6	chr7:142374130-142375525	0.846748	0.930966	0.136796	0.942181
XLOC_020925	DAGLB	chr7:6448746-6487643	20.4792	22.5164	0.136815	0.859937
XLOC_017255	MAN2A1	chr5:109025155-109203429	0.573187	0.630234	0.136882	0.922274
XLOC_008558	DNAJA2	chr16:46989273-47007625	26.2669	28.8817	0.136912	0.851639
XLOC_022771	LINC00032	chr9:27245681-27282791	0.00524123	0.00576301	0.136917	1
XLOC_003190	FAM196A	chr10:128594022-129250780	0.0113195	0.0124464	0.136918	1
XLOC_012467	LYPD6	chr2:150186498-150330659	0.856763	0.94206	0.136922	0.91207
XLOC_010828	SIPA1L3	chr19:38397867-38699008	3.6979	4.06626	0.136997	0.869345
XLOC_013022	IMMT	chr2:86371054-86422893	38.5146	42.3512	0.136998	0.840418
XLOC_014845	DNAJB7	chr22:41253084-41328823	0.216997	0.238614	0.137003	1
XLOC_020494	MRPS17	chr7:56019610-56023033	68.2019	74.9984	0.137049	0.860285

XLOC_003979	NAP1L4	chr11:2965659-3013607	47.1783	51.8816	0.137101	0.844657
XLOC_010533	ZNF358	chr19:7581003-7585911	52.7635	58.0243	0.137117	0.852765
XLOC_001235	CHD5	chr1:6161846-6240194	0.0367552	0.0404247	0.137289	1
XLOC_020895	C7orf50	chr7:1036622-1177893	84.0694	92.4668	0.137354	0.860871
XLOC_009886	HEATR6	chr17:58120551-58156292	2.83769	3.12125	0.13741	0.879418
XLOC_004717	LOC642846	chr12:9436252-9466684	3.40964	3.75069	0.137535	0.889403
XLOC_007920	HMOX2	chr16:4511694-4560348	37.0329	40.7385	0.137586	0.894574
XLOC_021031	POLR2J4	chr7:43966034-44058748	0.816236	0.897953	0.137654	0.948523
XLOC_010524	TNFSF9	chr19:6531009-6535939	17.9989	19.8014	0.137691	0.870275
XLOC_005910	TPTE2P3	chr13:53063127-53161225	0.00594901	0.00654483	0.137707	1
XLOC_001087	ARF1	chr1:228270360-228286913	297.107	326.865	0.137713	0.845432
XLOC_000553	PRPF38B	chr1:109234931-109244422	10.245	11.2716	0.137775	0.844936
XLOC_016323	TMEM165	chr4:56262079-56292342	43.7898	48.1781	0.137785	0.848579
XLOC_016479	SNHG8	chr4:119199916-119200978	348.234	383.154	0.137869	0.875956
XLOC_000576	STRIP1	chr1:110574198-110597263	6.5466	7.20317	0.137885	0.866444
XLOC_024071	ZNF280C	chrX:129336672-129402922	1.81762	1.99994	0.137907	0.886331
XLOC_009532	SREBF1	chr17:17584786-17740325	23.0074	25.3158	0.137942	0.872122
XLOC_008616	TRADD	chr16:67188088-67193812	9.79369	10.7777	0.13812	0.899489
XLOC_020337	MAFK	chr7:1570367-1596066	8.27385	9.10516	0.138126	0.916694
XLOC_013302	KCTD18	chr2:201353683-201374792	2.56048	2.81821	0.138365	0.896288
XLOC_023488	COX7B	chrX:77154960-77160881	319.068	351.188	0.138377	0.85025
XLOC_015564	PRRT3	chr3:9987225-9996471	1.24058	1.3655	0.13842	0.941894
XLOC_009460	NEURL4	chr17:7218950-7232638	3.30184	3.63444	0.138465	0.879269
XLOC_005450	TFCP2	chr12:51487538-51566926	2.62147	2.88566	0.138524	0.879418
XLOC_003873	TBCEL	chr11:120894802-120960354	1.31045	1.44255	0.138565	0.901564
XLOC_003634	BANF1	chr11:65764015-65771617	230.574	253.824	0.138601	0.86364
XLOC_016269	TBC1D19	chr4:26585545-26756918	1.79919	1.98085	0.138773	0.913887
XLOC_014515	DRG1	chr22:31795538-31830172	60.6863	66.8139	0.138777	0.844936
XLOC_023203	ZMYND19	chr9:140476530-140484937	83.0792	91.4679	0.138779	0.846872
XLOC_011891	KLK14	chr19:51581153-51587502	0.173659	0.191198	0.138805	1
XLOC_002009	SLC19A2	chr1:169433148-169455208	7.67671	8.45215	0.13883	0.863898
XLOC_000609	VANGL1	chr1:116184573-116240845	1.58688	1.74725	0.138893	0.87046
XLOC_003576	MARK2	chr11:63606399-63678492	10.2804	11.3196	0.138929	0.85718
XLOC_020906	BRAT1	chr7:2577443-2595392	22.8896	25.2038	0.13895	0.850951
XLOC_015587	GRIP2	chr3:14444105-14583588	0.0448405	0.049374	0.138951	1
XLOC_014295	URB1	chr21:33664123-33765312	4.64127	5.11112	0.139118	0.85025
XLOC_008202	NIP7	chr16:69362523-69377013	22.5468	24.8294	0.139129	0.883608
XLOC_000292	MANEAL	chr1:38259773-38267278	11.443	12.6015	0.13913	0.86224
XLOC_010707	UPF1	chr19:18942743-18979039	20.8228	22.9348	0.139375	0.847872
XLOC_003014	POLR3A	chr10:79734906-79789298	4.82894	5.31883	0.139401	0.851639
XLOC_018716	LOC401242	chr6:28827401-28831454	0.00631791	0.00695889	0.13941	1
XLOC_015206	ARL6	chr3:97483594-97517373	0.835204	0.920051	0.139584	0.942365
XLOC_004322	SLC25A45	chr11:65142662-65150142	1.762	1.94103	0.13961	0.920543
XLOC_017600	ZFR	chr5:32354455-32444844	8.28686	9.12905	0.139638	0.84439
XLOC_021090	SBDS	chr7:66452689-66460588	51.7575	57.0181	0.139652	0.839812
XLOC_004547	SIK3	chr11:116714117-116968993	2.90558	3.20096	0.139681	0.867312
XLOC_015258	SLC35A5	chr3:112280856-112303284	3.1243	3.44199	0.139709	0.880357
XLOC_008726	APRT	chr16:88875876-88878342	224.103	246.893	0.139721	0.841384
XLOC_016037	TRIM59	chr3:160153290-160167626	0.115556	0.127309	0.139749	1

XLOC_006505	IFI27L1	chr14:94547638-94569060	19.8151	21.8312	0.139791	0.885329
XLOC_013147	SMPD4	chr2:130908964-130948300	20.2352	22.296	0.139918	0.94188
XLOC_006661	C14orf79	chr14:105452615-105461855	6.78031	7.47246	0.140232	0.879055
XLOC_008055	FBRS	chr16:30675777-30682131	23.429	25.8215	0.140278	0.844936
XLOC_020882	RNF32	chr7:156433352-156469820	1.76851	1.94911	0.140285	0.916789
XLOC_013929	E2F1	chr20:32263291-32274210	13.9604	15.3861	0.140287	0.860132
XLOC_001726	AP4B1	chr1:114356432-114447741	5.99161	6.60388	0.140369	0.869018
XLOC_017733	MEF2C	chr5:88014057-88199922	0.00298496	0.00329001	0.140378	1
XLOC_003856	CCDC84	chr11:118868851-118889057	13.4802	14.8586	0.14045	0.986181
XLOC_016276	PGM2	chr4:37828281-37864559	7.97433	8.78976	0.140462	0.851662
XLOC_021106	MLXIPL	chr7:73007523-73038870	5.26802	5.80696	0.140521	0.880357
XLOC_024190	FLNA	chrX:153576899-153603006	78.5627	86.6021	0.140558	0.848653
XLOC_009344	ANAPC11	chr17:79849598-79858363	113.914	125.573	0.140582	0.844936
XLOC_007931	METTTL22	chr16:8715526-8740079	6.61393	7.29143	0.140695	0.885443
XLOC_006451	EIF2B2	chr14:75469611-75476294	18.0754	19.9272	0.140708	0.854216
XLOC_019164	LOC100129518	chr6:160181290-160210735	0.214084	0.236024	0.140757	1
XLOC_019034	WASF1	chr6:110421021-110501207	3.00066	3.30836	0.140834	0.890151
XLOC_014197	RRP1B	chr21:45079431-45115960	15.225	16.7862	0.140841	0.840956
XLOC_015800	PSMD6	chr3:63989697-64009686	81.8946	90.2985	0.140934	0.842721
XLOC_011963	PPP6R1	chr19:55741146-55770038	39.4015	43.4485	0.141056	0.840433
XLOC_022111	HRSP12	chr8:99114566-99129418	50.7702	55.9857	0.141078	0.841165
XLOC_002951	CCDC6	chr10:61548505-61666414	9.29825	10.254	0.141162	0.840937
XLOC_017382	PCDHB13	chr5:140593508-140596993	1.79368	1.97807	0.141175	0.900642
XLOC_013106	ZC3H8	chr2:112973438-113012664	10.7425	11.847	0.141192	0.859038
XLOC_001991	ALDH9A1	chr1:165631448-165667900	34.0574	37.5591	0.141197	0.838861
XLOC_005227	FOXN1	chr12:2945981-2998691	21.6175	23.8414	0.14127	0.869722
XLOC_003543	SDHAF2	chr11:61197596-61214239	31.2001	34.4117	0.141346	0.848579
XLOC_016167	FGFRL1	chr4:1005609-1020686	11.3794	12.5509	0.141366	0.848579
XLOC_004785	MRPS35	chr12:27863705-27909237	35.4509	39.102	0.14142	0.839812
XLOC_003300	TIMM10B	chr11:6495912-6505911	8.64522	9.53581	0.141452	0.926868
XLOC_003165	MCMBP	chr10:121588915-121633140	14.7123	16.228	0.141457	0.839581
XLOC_005202	FBRSL1	chr12:133067156-133161773	18.7418	20.6729	0.141478	0.846475
XLOC_011278	ADAMTSL5	chr19:1505016-1513188	4.99435	5.50902	0.141497	0.886228
XLOC_009515	CDRT4,TVP23C,T	chr17:15339331-15466945	8.55382	9.43547	0.141525	0.872122
XLOC_004678	PTMS	chr12:6875540-6880118	213.857	235.905	0.141558	0.840433
XLOC_023473	PIN4	chrX:71401525-71483814	11.1813	12.3343	0.141596	0.895415
XLOC_005483	SPRYD3	chr12:53436972-53473204	27.1131	29.9104	0.141658	0.848243
XLOC_016470	AP1AR	chr4:113152894-113191211	7.15535	7.89358	0.141658	0.864982
XLOC_013758	GTPBP5	chr20:60758080-60777810	6.17007	6.80665	0.141659	0.87368
XLOC_002090	ASPM	chr1:197053256-197115824	1.71219	1.88885	0.14167	0.87481
XLOC_000079	TARDBP	chr1:11072678-11085549	16.0248	17.6789	0.14172	0.840058
XLOC_009066	NKIRAS2	chr17:40118758-40190044	12.7998	14.1211	0.141738	0.964627
XLOC_005576	LOC100507250	chr12:69068150-69080639	0.19306	0.212993	0.141754	1
XLOC_018295	TAF8	chr6:42018250-42048644	4.65703	5.13793	0.141776	0.859038
XLOC_012560	PMS1	chr2:190634992-190742355	3.84381	4.24076	0.141788	0.945597
XLOC_023590	UBE2A	chrX:118708498-118718379	27.7685	30.6382	0.141879	0.844936
XLOC_013964	LOC388796	chr20:37049238-37064018	114.784	126.652	0.141945	0.839214
XLOC_021379	TPK1	chr7:144149033-144533146	0.632437	0.697827	0.141949	0.934932
XLOC_021688	LAPTM4B	chr8:98787808-98864830	1.02787	1.13427	0.142115	0.926868

XLOC_001216	MORN1	chr1:2252695-2322993	1.02743	1.1338	0.142125	0.961214
XLOC_004705	NECAP1	chr12:8234806-8250373	7.78324	8.58909	0.142134	0.8626
XLOC_021108	STX1A	chr7:73113534-73134017	19.3864	21.394	0.142166	0.847186
XLOC_005529	ATP5B	chr12:57031958-57039852	471.567	520.484	0.142391	0.842721
XLOC_000145	MRTO4	chr1:19578074-19586622	45.3889	50.0973	0.142393	0.835834
XLOC_005145	HNF1A	chr12:121416548-121440314	0.38806	0.428324	0.142423	0.946021
XLOC_023458	DLG3	chrX:69664704-69725339	6.71269	7.40943	0.142473	0.844936
XLOC_016434	SMARCAD1	chr4:95128758-95212443	2.22103	2.45157	0.142475	0.877848
XLOC_017135	GPX8	chr5:54408798-54469005	13.8848	15.3264	0.142513	0.835937
XLOC_014451	RAB36	chr22:23487512-23506531	3.34706	3.69461	0.142528	0.881798
XLOC_002893	HNRNPF	chr10:43881064-43904696	110.712	122.209	0.142542	0.836347
XLOC_008388	SLX4	chr16:3631183-3661585	1.22382	1.35094	0.142565	0.890563
XLOC_010764	KIAA0355	chr19:34745455-34846471	1.25383	1.38428	0.142795	0.882554
XLOC_017023	CASP3	chr4:185548849-185570629	5.98145	6.60395	0.142834	0.8626
XLOC_018890	XPO5	chr6:43490067-43543812	17.3044	19.1081	0.143043	0.830497
XLOC_009964	HN1	chr17:73131343-73150775	115.855	127.932	0.143061	0.839812
XLOC_009347	ASPSCR1	chr17:79935425-79975282	22.4163	24.7534	0.143078	0.856147
XLOC_013706	CSE1L	chr20:47662782-47713497	51.9874	57.408	0.143091	0.839406
XLOC_021427	FBXO25	chr8:356807-419875	15.0155	16.582	0.143166	0.844936
XLOC_004542	BUD13	chr11:116618885-116643714	11.2914	12.4695	0.143187	0.854216
XLOC_018066	GMPR	chr6:16238810-16295780	12.8699	14.2128	0.143188	0.86364
XLOC_021170	PON1	chr7:94927668-94953884	0.0191399	0.0211375	0.143221	1
XLOC_016656	MRFAP1L1	chr4:6709428-6711606	36.5311	40.3445	0.143246	0.83354
XLOC_009934	FAM20A	chr17:66507920-66597095	0.0163823	0.0180943	0.143398	1
XLOC_009743	GHDC	chr17:40341104-40346550	13.9256	15.3829	0.143587	0.858729
XLOC_009642	DDX52	chr17:35972362-36003493	4.86585	5.37536	0.14367	0.852016
XLOC_010750	DPY19L3	chr19:32896654-32976799	2.29083	2.53079	0.143715	0.867118
XLOC_013508	AP5S1	chr20:3801170-3805954	5.97247	6.5981	0.143723	0.884203
XLOC_017675	SREK1IP1	chr5:63986134-64064496	3.59003	3.96623	0.143773	0.842721
XLOC_017877	PLAC8L1	chr5:145463875-145483946	2.30127	2.54245	0.143786	0.936311
XLOC_000069	SLC25A33	chr1:9599527-9642831	23.9283	26.436	0.143788	0.845446
XLOC_006075	ALG5	chr13:37523907-37573504	32.5578	35.9703	0.143803	0.844936
XLOC_003106	NPM3	chr10:103541081-103543170	166.194	183.616	0.143819	0.832978
XLOC_016884	LEF1	chr4:108968700-109097586	7.93579	8.76781	0.143843	0.86364
XLOC_021782	ZNF623	chr8:144718182-144735900	4.54139	5.0177	0.143893	0.860592
XLOC_023584	IL13RA1	chrX:117861558-117928496	7.34454	8.11492	0.143906	0.846524
XLOC_020885	UBE3C	chr7:156931654-157062066	17.1273	18.9241	0.143928	0.836571
XLOC_022694	TOR4A	chr9:140172279-140177093	52.9173	58.4708	0.143978	0.830497
XLOC_006340	FANCM	chr14:45605135-45670093	0.371468	0.410485	0.144092	0.910709
XLOC_007302	ARID3B	chr15:74833547-74890472	3.58939	3.96643	0.1441	0.869513
XLOC_014476	CRYBB2	chr22:25615611-25627836	6.48231	7.16339	0.144135	0.906135
XLOC_012055	GREB1	chr2:11674241-11782912	0.0850083	0.0939428	0.144179	1
XLOC_021925	TRIM35	chr8:27142403-27168834	5.46907	6.04441	0.144306	0.8574
XLOC_012506	LOC100505695	chr2:171627603-171634757	2.71347	2.99895	0.144317	0.927017
XLOC_008830	WRAP53	chr17:7571719-7606820	20.3237	22.4621	0.144329	0.939323
XLOC_005779	DHX37	chr12:125431369-125473667	11.7517	12.9889	0.144405	0.84258
XLOC_002813	USP6NL	chr10:11502508-11653679	2.88885	3.19309	0.144458	0.865674
XLOC_020659	SLC12A9	chr7:100450340-100464634	25.3815	28.0587	0.144668	0.838861
XLOC_001289	CASP9	chr1:15818768-15851285	4.10312	4.53608	0.144722	0.886468

XLOC_021223	ACHE	chr7:100487614-100493541	5.47331	6.05096	0.144751	0.886468
XLOC_004842	LARP4	chr12:50794591-50873788	2.55079	2.82008	0.144796	0.862406
XLOC_017516	TMED9	chr5:177019212-177023099	166.792	184.416	0.144919	0.833791
XLOC_009566	POLDIP2	chr17:26662547-26684603	54.7426	60.5273	0.144922	0.862353
XLOC_020696	DLD	chr7:107531585-107561643	25.731	28.4533	0.14509	0.828968
XLOC_007573	GABPB1	chr15:50569388-50650503	7.71111	8.5274	0.145168	0.883608
XLOC_002717	SLC18A2	chr10:119000583-119038941	1.2057	1.33338	0.145207	0.898837
XLOC_003957	MOB2	chr11:1490684-1785501	24.9281	27.5687	0.14526	0.96692
XLOC_013854	TMX4	chr20:7961715-8000393	6.58354	7.28096	0.145263	0.864624
XLOC_007592	RSL24D1	chr15:55473511-55489231	139.087	153.835	0.145399	0.835834
XLOC_003120	USMG5	chr10:105127723-105156270	386.537	427.536	0.145438	0.843686
XLOC_019200	TCTE3	chr6:170140214-170151638	0.0646636	0.0715298	0.145591	1
XLOC_013517	CDS2	chr20:5107406-5178533	4.52873	5.00976	0.145633	0.836107
XLOC_010173	ZNF271	chr18:32870235-32890730	3.23491	3.57874	0.145727	0.849345
XLOC_004256	RAB31L1	chr11:61664767-61687741	5.27327	5.8338	0.145738	0.883608
XLOC_007244	APH1B	chr15:63569748-63601325	3.68323	4.07531	0.145936	0.862353
XLOC_002767	PWWP2B	chr10:134210701-134231358	23.369	25.857	0.145955	0.851628
XLOC_018628	RPP40	chr6:4995279-5004271	10.9317	12.096	0.146014	0.869722
XLOC_004130	IMMP1L	chr11:31391376-31531169	4.02302	4.45151	0.146017	0.957014
XLOC_005058	CHPT1	chr12:102091416-102133250	13.8458	15.3217	0.146133	0.851662
XLOC_010632	DCAF15	chr19:14041999-14072256	26.414	29.2302	0.146157	0.842396
XLOC_005789	DDX51	chr12:132621139-132628880	8.73305	9.66467	0.146235	0.840937
XLOC_017776	CDO1	chr5:115140429-115152405	0.0426084	0.0471555	0.146288	1
XLOC_001758	FAM72D	chr1:143896451-143913143	1.39652	1.54561	0.146343	0.912504
XLOC_008827	MPDU1	chr17:7486964-7493488	53.9982	59.7677	0.146455	0.828523
XLOC_008754	DPH1_OVCA2	chr17:1933430-1946725	104.513	115.682	0.146488	0.842721
XLOC_001740	IGSF3	chr1:117117030-117210314	1.3346	1.47727	0.146523	0.875956
XLOC_008595	C16orf80	chr16:58147496-58163296	39.4868	43.7105	0.146609	0.83928
XLOC_018784	ATF6B	chr6:32083044-32096017	39.5894	43.8283	0.146748	0.824392
XLOC_004367	UNC93B1	chr11:67758574-67771593	32.2871	35.7455	0.146804	0.843317
XLOC_000612	ATP1A1	chr1:116915794-116961244	78.2638	86.6555	0.146947	0.83354
XLOC_022710	KIAA0020	chr9:2804154-2844130	14.2995	15.8332	0.146991	0.831834
XLOC_014121	USP16	chr21:30396937-30426807	5.68472	6.29446	0.146994	0.852189
XLOC_011651	HNRNPL	chr19:39327027-39342979	177.545	196.62	0.147221	0.828549
XLOC_001908	CCT3	chr1:156278751-156316785	318.254	352.451	0.147244	0.831834
XLOC_008732	CHMP1A	chr16:89710838-89736866	45.6193	50.5231	0.147299	0.844366
XLOC_007686	UBL7	chr15:74738317-74753529	51.0895	56.5817	0.147308	0.829938
XLOC_014243	C21orf91	chr21:19149720-19191703	1.26711	1.40343	0.147416	0.879418
XLOC_023553	PRPS1	chrX:106871653-106894256	24.7297	27.3912	0.147466	0.831614
XLOC_012986	MOB1A	chr2:74383210-74405995	23.0851	25.5743	0.147731	0.836427
XLOC_008729	CBFA2T3	chr16:88941262-89043504	1.58136	1.75218	0.147981	0.906423
XLOC_021915	NKX3-1	chr8:23536205-23540450	4.03978	4.47621	0.148002	0.870942
XLOC_017283	SRFBP1	chr5:121297655-121364295	25.9099	28.7096	0.14803	0.836074
XLOC_002360	VIM	chr10:17270257-17279592	8.94992	9.91735	0.14808	0.869189
XLOC_010005	CYTH1	chr17:76670129-76778376	3.72418	4.12686	0.148123	0.869972
XLOC_017503	FAF2	chr5:175875355-175937075	10.0307	11.1159	0.148203	0.831834
XLOC_007698	PTPN9	chr15:75759461-75871625	6.53136	7.23816	0.148238	0.843869
XLOC_009929	PSMD12	chr17:65336618-65362721	32.7939	36.3441	0.148294	0.824372
XLOC_014618	FAM118A	chr22:45705080-45737836	5.15255	5.7105	0.148332	0.860786

XLOC_014140	EVA1C	chr21:33784751-33887697	8.71506	9.65889	0.148346	0.865957
XLOC_017813	CDKN2AIPNL	chr5:133737755-133747598	32.1615	35.6495	0.148546	0.840418
XLOC_010425	BSG	chr19:571276-583493	629.79	698.122	0.148608	0.835783
XLOC_002403	CREM	chr10:35415768-35501886	19.1731	21.2535	0.148616	0.859038
XLOC_008299	C16orf55	chr16:89710838-89736866	7.39037	8.19257	0.148669	0.975454
XLOC_002703	NHLRC2	chr10:115614390-115672265	1.06857	1.18467	0.148802	0.88141
XLOC_006467	GSTZ1	chr14:77787229-77797940	23.0562	25.5622	0.148858	0.84703
XLOC_003444	PTPMT1	chr11:47586981-47606115	16.2595	18.0268	0.148868	0.930216
XLOC_013612	RALY	chr20:32581457-32670991	41.1608	45.6351	0.148874	0.825017
XLOC_005382	KIF21A	chr12:39687029-39837192	1.04253	1.15597	0.149011	0.876392
XLOC_020692	DUS4L	chr7:106809405-107218968	5.71182	6.3334	0.14903	0.960032
XLOC_012962	C2orf42	chr2:70377016-70418151	2.43117	2.69579	0.149058	0.886331
XLOC_006969	SETD3	chr14:99864082-99947226	10.2315	11.3457	0.149133	0.844936
XLOC_017553	TERT	chr5:1253286-1295162	1.03953	1.15281	0.149212	0.922274
XLOC_018638	SLC35B3	chr6:8413300-8435794	7.12113	7.8971	0.149217	0.861253
XLOC_015799	THOC7	chr3:63805040-63849597	40.3816	44.7836	0.149272	0.835783
XLOC_021547	ZNF703	chr8:37553300-37556396	5.00599	5.55171	0.149278	0.908161
XLOC_021023	MPLKIP	chr7:40172341-40174251	24.3133	26.9641	0.149296	0.858729
XLOC_013225	CCDC173	chr2:170501934-170550931	0.0288397	0.0319864	0.149403	1
XLOC_008767	EMC6	chr17:3539761-3599698	147.142	163.199	0.149417	0.933684
XLOC_021454	ERI1	chr8:8860313-8890849	6.25279	6.93573	0.149546	0.840753
XLOC_014866	CYB5R3	chr22:43013845-43045405	53.8195	59.6983	0.149561	0.825017
XLOC_008035	KIF22	chr16:29802033-29816706	56.526	62.7052	0.149672	0.831265
XLOC_002540	LOC642361	chr10:81585657-81587358	2.21501	2.45722	0.149712	0.929986
XLOC_014155	SMIM11	chr21:35747748-35761452	15.7859	17.5122	0.149725	0.863898
XLOC_008846	RANGRF	chr17:8191081-8198170	62.623	69.4755	0.149811	0.843686
XLOC_007125	PGBD4	chr15:34394273-34396591	0.485482	0.538611	0.149825	0.937886
XLOC_013078	MFSD9	chr2:103333665-103353337	1.94972	2.16318	0.14989	0.891976
XLOC_001464	INPP5B	chr1:38326368-38412729	5.14499	5.7083	0.149892	0.841898
XLOC_003323	IPO7	chr11:9406168-9469674	13.3154	14.7735	0.149908	0.825017
XLOC_003930	GLB1L2	chr11:134201767-134246218	18.367	20.3789	0.149961	0.824372
XLOC_007757	SEC11A	chr15:85212767-85259691	156.391	173.53	0.150033	0.825017
XLOC_009348	LRRC45	chr17:79981279-79989027	8.69097	9.64355	0.150046	0.867427
XLOC_001868	TPM3	chr1:154127779-154164609	65.6297	72.8256	0.150098	0.826133
XLOC_002983	PSAP	chr10:73576054-73611082	215.826	239.492	0.150112	0.831614
XLOC_011021	FLT3LG	chr19:49977465-49989488	7.85218	8.71336	0.150136	0.896288
XLOC_006640	TNFAIP2	chr14:103592663-103603776	6.95665	7.71969	0.15015	0.844936
XLOC_018317	MAD2L1BP	chr6:43597278-43608688	35.611	39.519	0.150225	0.828851
XLOC_005205	PGAM5	chr12:133287392-133299323	40.7944	45.2717	0.150236	0.830017
XLOC_016396	ANXA3	chr4:79472741-79531605	0.00948113	0.010522	0.150283	1
XLOC_001919	SH2D2A	chr1:156776034-156851642	4.66157	5.1734	0.150295	0.898731
XLOC_015783	HESX1	chr3:57231943-57234280	0.408167	0.452998	0.150344	0.955124
XLOC_014647	NCAPH2	chr22:50946644-50968514	18.9205	20.9992	0.150385	0.908914
XLOC_017906	SLC36A2	chr5:150694538-150727151	0.00516137	0.00572959	0.150678	1
XLOC_008947	ERAL1	chr17:27182042-27188072	49.5767	55.0353	0.150696	0.828851
XLOC_015985	ATR	chr3:142168076-142297668	0.946813	1.05107	0.150713	0.867658
XLOC_014853	NHP2L1	chr22:42069936-42084913	146.272	162.385	0.150769	0.820487
XLOC_015478	VWA5B2	chr3:183948316-183967313	3.25038	3.60862	0.15084	0.965831
XLOC_006800	SOS2	chr14:50583845-50698099	1.61571	1.79381	0.150862	0.870275

XLOC_017231	POLR3G	chr5:89770680-89810369	3.88663	4.3151	0.150875	0.853245
XLOC_003386	EIF3M	chr11:32605312-32816187	132.31	146.909	0.151004	0.840918
XLOC_022951	FANCC	chr9:97861335-98079991	2.97357	3.30179	0.151052	0.86364
XLOC_010742	POP4	chr19:30097169-30108162	12.6694	14.0687	0.151144	0.825683
XLOC_015724	TRAIP	chr3:49866027-49893992	5.92177	6.57596	0.151173	0.864624
XLOC_020716	ING3	chr7:120590816-120615711	7.48746	8.31525	0.151283	0.854102
XLOC_005941	CLN5	chr13:77566058-77576652	5.65785	6.28359	0.151334	0.848628
XLOC_006040	MTMR6	chr13:25820340-25861704	3.30772	3.67361	0.151361	0.842721
XLOC_011710	CEACAM1	chr19:42901299-43156507	0.0291685	0.032395	0.151363	1
XLOC_008361	PGP	chr16:2261602-2264822	10.2096	11.3389	0.151364	0.844936
XLOC_023901	LOC92249	chrX:62646438-62780873	5.03996	5.59788	0.151468	0.859038
XLOC_003767	PANX1	chr11:93862093-93915137	3.46844	3.85274	0.151599	0.870873
XLOC_006037	CENPJ	chr13:25456411-25497027	1.11477	1.23832	0.15164	0.879418
XLOC_003594	RPS6KA4	chr11:64126624-64139687	38.6657	42.9512	0.151644	0.820487
XLOC_004238	MRPL16	chr11:59573607-59578345	62.9404	69.9205	0.151731	0.82411
XLOC_011785	STRN4	chr19:47222767-47261832	43.5817	48.4151	0.151733	0.838244
XLOC_005614	KITLG	chr12:88886569-88974250	0.186567	0.207265	0.151784	1
XLOC_012753	FARP2	chr2:242295663-242448987	0.587374	0.652573	0.15186	0.945399
XLOC_021386	ZNF777	chr7:149128453-149158053	15.6934	17.4373	0.152018	0.836801
XLOC_006032	MIPEP	chr13:24304327-24471125	12.3441	13.7169	0.152134	0.828851
XLOC_021305	IMPDH1	chr7:128032330-128050036	86.166	95.7557	0.152239	0.821371
XLOC_002769	INPP5A	chr10:134351352-134596984	6.60061	7.33549	0.152293	0.852179
XLOC_017743	MCTP1	chr5:94042288-94620279	4.39587	4.88564	0.152399	0.848291
XLOC_002522	PLAU	chr10:75669726-75682535	24.5921	27.333	0.152447	0.823716
XLOC_001503	KDM4A-AS1	chr1:44115796-44173012	0.421625	0.468619	0.152457	0.98206
XLOC_003650	LRFN4	chr11:66615996-66725847	42.9998	47.7933	0.152479	0.832563
XLOC_005176	FAM101A,ZNF664	chr12:124457761-124800570	16.923	18.8098	0.152492	0.820487
XLOC_011428	YIPF2	chr19:10982252-11039357	28.9483	32.1767	0.152542	0.937886
XLOC_010569	P2RY11,PPAN,PF	chr19:10216898-10230599	44.0403	48.9552	0.152637	0.945887
XLOC_015072	CCR9	chr3:45864809-45957216	0.00688576	0.00765431	0.152657	1
XLOC_000638	ANKRD34A	chr1:145470507-145475647	2.22474	2.47307	0.152666	0.889795
XLOC_018636	BLOC1S5,EEF1E	chr6:7727010-8102828	119.86	133.243	0.152707	0.858852
XLOC_015415	LEKR1	chr3:156544095-156763918	0.104535	0.116209	0.152733	1
XLOC_000426	USP1	chr1:62901974-62917475	9.93008	11.0391	0.152747	0.818547
XLOC_008789	RABEP1	chr17:5185557-5289132	8.11043	9.01642	0.152776	0.817355
XLOC_018572	SYNJ2	chr6:158402887-158520207	0.903584	1.00454	0.152805	0.880061
XLOC_022429	GADD45G	chr9:92219926-92221469	1.5459	1.71869	0.152863	0.949526
XLOC_014784	RFPL3S	chr22:32750871-32767063	1.55344	1.72719	0.152956	0.928904
XLOC_011489	EMR2	chr19:14843508-14889353	0.00276467	0.00307392	0.152972	1
XLOC_021913	LOXL2	chr8:23154409-23261722	0.420534	0.467587	0.153012	0.936242
XLOC_018889	YIPF3	chr6:43479564-43484728	70.9794	78.9215	0.153018	0.815686
XLOC_005098	RAD9B	chr12:110940004-110969891	0.451646	0.502198	0.153064	0.940466
XLOC_008759	RAP1GAP2	chr17:2699731-2941035	5.67255	6.30759	0.153091	0.823431
XLOC_005966	UBAC2	chr13:99848627-100058554	19.5326	21.7195	0.153107	0.831834
XLOC_020380	BZW2	chr7:16685758-16746148	88.0422	97.9013	0.153133	0.820086
XLOC_005834	POMP	chr13:29233140-29253093	83.821	93.212	0.153205	0.813202
XLOC_011704	GSK3A	chr19:42734337-42746736	45.4015	50.489	0.153228	0.818092
XLOC_017935	SLU7	chr5:159828647-159846168	9.15406	10.1801	0.153265	0.824372
XLOC_015690	UCN2	chr3:48599150-48601201	0.10181	0.113223	0.153296	1

XLOC_020396	MALSU1	chr7:23338939-23349180	58.7459	65.3342	0.15335	0.832978
XLOC_012902	MCFD2	chr2:47129008-47303275	22.8047	25.3655	0.153537	0.837945
XLOC_018516	PDE7B	chr6:136172833-136516709	0.0819059	0.0911121	0.153674	1
XLOC_006294	DCAF11	chr14:24583905-24594451	16.3824	18.2239	0.153687	0.817355
XLOC_020836	CUL1	chr7:148395932-148498202	22.751	25.3113	0.153853	0.810769
XLOC_005543	STAC3	chr12:57637241-57644969	0.396714	0.441363	0.153868	0.951867
XLOC_022483	RNF20	chr9:104296132-104325626	6.39316	7.11271	0.15387	0.828398
XLOC_001006	SRGAP2,SRGAP2	chr1:206516199-206637783	4.2773	4.75877	0.153887	0.8626
XLOC_018828	TAF11	chr6:34845554-34855848	14.1152	15.7057	0.154039	0.836427
XLOC_005618	ATP2B1	chr12:89981825-90049844	1.59082	1.77007	0.154039	0.856904
XLOC_018608	TBP	chr6:170863420-170881958	9.10839	10.1352	0.154107	0.848939
XLOC_012180	CHAC2	chr2:53897116-54087170	4.6898	5.2186	0.154137	0.955413
XLOC_004274	STX5	chr11:62574331-62599563	26.3845	29.3599	0.154158	0.824372
XLOC_009112	NMT1	chr17:43138679-43186382	20.6501	22.9801	0.154238	0.812379
XLOC_018894	SLC35B2	chr6:44221837-44225283	41.0895	45.7274	0.154291	0.810769
XLOC_023276	ZRSR2	chrX:15808573-15841382	5.93561	6.60573	0.154322	0.8626
XLOC_002676	TAF5	chr10:105127723-105156270	2.53348	2.8196	0.154369	0.967296
XLOC_008979	PSMD11	chr17:30771480-30810337	25.9803	28.916	0.154449	0.818403
XLOC_013115	RPL23AP7	chr2:114368815-114384715	8.30494	9.24357	0.154448	0.91609
XLOC_013139	AMMECR1L	chr2:128619206-128643514	5.86216	6.52495	0.154535	0.829483
XLOC_013544	POLR3F	chr20:18448032-18465286	4.05425	4.51316	0.154701	0.86914
XLOC_023040	MEGF9	chr9:123363195-123476765	1.03891	1.15651	0.154711	0.879041
XLOC_011228	ZIK1	chr19:58095627-58103758	0.0125737	0.0139975	0.154759	1
XLOC_012060	DDX1	chr2:15731744-15771235	30.2416	33.6676	0.154823	0.808952
XLOC_004523	PPP2R1B	chr11:111473169-111637169	6.13218	6.82696	0.154843	0.884031
XLOC_005977	TPP2	chr13:103249285-103331523	10.4003	11.579	0.154882	0.81416
XLOC_013802	C20orf96	chr20:251503-271419	7.6713	8.54113	0.154957	0.862187
XLOC_003822	PTS	chr11:112097087-112104695	14.4054	16.0398	0.155041	0.85132
XLOC_006713	PSMB5	chr14:23495059-23504429	237.825	264.83	0.155168	0.817355
XLOC_010766	PDCD2L	chr19:34895302-34917072	25.9613	28.9097	0.155191	0.840937
XLOC_023978	TIMM8A	chrX:100600643-100603957	8.96929	9.98796	0.155197	0.891309
XLOC_021112	RFC2	chr7:73645831-73668738	31.1587	34.6976	0.1552	0.813928
XLOC_005694	ANAPC7	chr12:110810704-110841535	13.9615	15.5472	0.1552	0.821748
XLOC_010666	TMEM38A	chr19:16771937-16799816	1.98868	2.21455	0.1552	0.911075
XLOC_021732	ZHX2	chr8:123793900-123986755	2.1046	2.34374	0.155264	0.869473
XLOC_016181	SH3BP2	chr4:2794749-2842823	6.65158	7.40744	0.155277	0.819558
XLOC_014861	TCF20	chr22:42556018-42611445	3.98698	4.44005	0.155278	0.825683
XLOC_016300	GUF1	chr4:44680432-44702697	8.25408	9.19216	0.155297	0.813026
XLOC_016609	FRG1	chr4:190861973-190884359	31.7033	35.308	0.155361	0.824372
XLOC_009278	ARMC7	chr17:73106081-73127890	6.16643	6.86766	0.155384	0.954535
XLOC_013745	NELFCD	chr20:57556262-57570188	39.0187	43.4578	0.155446	0.809839
XLOC_020563	RHBDD2	chr7:75508316-75518244	43.0367	47.9333	0.155461	0.812084
XLOC_001560	HSPB11	chr1:54387233-54411288	33.76	37.6042	0.155582	0.842771
XLOC_004167	ARFGAP2	chr11:46958250-47198676	27.0138	30.0922	0.155693	0.86876
XLOC_007963	PKD1P1	chr16:16411465-16444465	16.3772	18.2437	0.155705	0.814411
XLOC_012091	TMEM214	chr2:27255773-27264565	24.701	27.5162	0.15571	0.81727
XLOC_013073	TBC1D8	chr2:101618690-101767846	1.96151	2.18513	0.155751	0.989716
XLOC_020886	DNAJB6	chr7:157129709-157210133	70.5784	78.6251	0.155763	0.819558
XLOC_005064	TDG	chr12:104359592-104382656	4.63693	5.16568	0.155788	0.842721

XLOC_005753	RHOF	chr12:122150657-122231594	131.22	146.184	0.155797	0.836107
XLOC_010411	LOC400657	chr18:72259009-72265071	2.55398	2.84524	0.155801	0.867925
XLOC_009130	GOSR2	chr17:45000485-45018733	6.51034	7.25281	0.155806	0.868876
XLOC_007256	SLC24A1	chr15:65914269-65948598	1.07594	1.19874	0.155915	0.890489
XLOC_006735	MDP1,NEDD8,NE	chr14:24683142-24701576	272.477	303.593	0.156004	0.812055
XLOC_009342	SLC25A10	chr17:79679265-79688046	65.8438	73.3675	0.156094	0.821056
XLOC_001223	MMEL1	chr1:2517898-2564481	3.07591	3.42759	0.156179	0.952539
XLOC_010201	ELAC1	chr18:48494386-48514490	2.30934	2.57344	0.156214	0.880754
XLOC_005491	ATF7	chr12:53901639-54020199	2.90606	3.23855	0.156282	0.93285
XLOC_016703	ARAP2	chr4:36067619-36245979	0.629893	0.701978	0.156319	0.882803
XLOC_014398	BCL2L13	chr22:18121349-18213621	5.61851	6.2618	0.156391	0.828851
XLOC_018958	MB21D1	chr6:74134855-74162043	4.10747	4.578	0.156468	0.882688
XLOC_006737	TGM1	chr14:24718319-24732416	0.285429	0.318145	0.156555	1
XLOC_017209	JMY	chr5:78531924-78623038	1.53727	1.71349	0.156568	0.846524
XLOC_010521	CLPP	chr19:6361462-6368915	187.156	208.617	0.156611	0.810183
XLOC_017257	SLC25A46	chr5:110074753-110098484	5.9236	6.60292	0.156631	0.847872
XLOC_013789	TPD52L2	chr20:62496580-62522898	101.319	112.938	0.156633	0.807981
XLOC_009700	KRTAP4-8	chr17:39253233-39254375	0.56487	0.629679	0.156697	0.955413
XLOC_008700	TAF1C	chr16:84178864-84220676	14.1792	15.8062	0.15671	0.820487
XLOC_015406	MBNL1	chr3:151980404-152183569	6.18381	6.89355	0.156751	0.828512
XLOC_004262	MTA2	chr11:62360674-62369312	35.4345	39.5017	0.15676	0.80614
XLOC_002242	C1orf131	chr1:231359508-231413719	5.06558	5.64744	0.15687	0.954397
XLOC_013593	KIF3B	chr20:30865453-30922811	2.89191	3.22409	0.156871	0.836107
XLOC_009851	SPAG9	chr17:49039534-49198226	3.52304	3.92797	0.156961	0.82034
XLOC_003586	FKBP2	chr11:64008412-64011607	73.4097	81.8489	0.156993	0.82411
XLOC_012161	SLC3A1	chr2:44502596-44589001	0.00654739	0.00730038	0.15705	1
XLOC_010989	LOC100505812	chr19:48711342-48761450	2.14898	2.39619	0.157087	0.940327
XLOC_021627	LOC286190	chr8:71520811-71581447	0.0100208	0.0111739	0.157135	1
XLOC_011536	ISYNA1	chr19:18530145-18549111	4.96694	5.53897	0.157262	0.967343
XLOC_020900	TMEM184A	chr7:1570367-1596066	4.54877	5.07266	0.157265	0.886114
XLOC_004657	TSPAN9	chr12:3186520-3395730	2.24465	2.50329	0.157334	0.875956
XLOC_000822	USP21	chr1:161129253-161135516	14.7469	16.4463	0.157351	0.828968
XLOC_000804	DUSP23	chr1:159750758-159752333	29.4842	32.8891	0.157668	0.861337
XLOC_012184	SPTBN1	chr2:54683453-54898583	8.52598	9.51063	0.157675	0.808631
XLOC_003841	IL10RA	chr11:117857105-117872199	0.143407	0.159976	0.157738	1
XLOC_022154	MRPL13	chr8:121408082-121535875	102.324	114.15	0.157792	0.815393
XLOC_006830	C14orf105	chr14:57936594-57960576	0.0146221	0.0163125	0.157822	1
XLOC_014755	ZMAT5	chr22:30116343-30162969	30.7962	34.3566	0.157839	0.83586
XLOC_010879	CCDC97	chr19:41816093-41830788	15.2751	17.0429	0.15799	0.815686
XLOC_010531	ARHGEF18	chr19:7459998-7537371	9.60944	10.7217	0.158007	0.811061
XLOC_003069	TM9SF3	chr10:98277866-98346809	24.6691	27.5245	0.158009	0.809514
XLOC_007873	MLST8	chr16:2255177-2261069	73.9204	82.4796	0.158065	0.810328
XLOC_023830	NDUFB11	chrX:47001614-47004609	125.938	140.522	0.158083	0.806275
XLOC_005706	TMEM116	chr12:112369086-112451023	3.24203	3.6175	0.158095	0.883608
XLOC_007255	PTPLAD1	chr15:65822826-65870693	30.6096	34.1579	0.158235	0.804859
XLOC_004268	UBXN1	chr11:62443971-62446527	144.841	161.635	0.158269	0.809959
XLOC_000925	DHX9	chr1:182808438-182857117	29.6644	33.104	0.158274	0.810757
XLOC_018988	AKIRIN2	chr6:88384577-88411985	17.7438	19.8044	0.158507	0.828851
XLOC_012827	ASXL2	chr2:25962252-26101312	0.491911	0.549071	0.158595	0.894023

XLOC_012926	BCL11A	chr2:60678301-60780633	0.814486	0.909162	0.158647	0.926279
XLOC_002589	PCGF5	chr10:92922768-93044088	10.92	12.1896	0.158667	0.907121
XLOC_023186	SAPCD2	chr9:139956578-139965028	51.5784	57.5763	0.158707	0.810757
XLOC_002521	ZSWIM8	chr10:75545381-75561556	4.77623	5.33178	0.158746	0.851343
XLOC_018835	SRPK1	chr6:35800810-35888957	24.6013	27.4634	0.158777	0.806525
XLOC_004858	LINC00592	chr12:52604713-52617597	0.0185378	0.020695	0.158816	1
XLOC_013192	ACVR1	chr2:158592957-158732374	4.53511	5.06311	0.158885	0.848628
XLOC_007226	LOC283663	chr15:57592562-57599967	0.140559	0.156927	0.158911	1
XLOC_023075	MAPKAP1	chr9:128199672-128469513	87.2037	97.3622	0.158973	0.83443
XLOC_000449	GADD45A	chr1:68150859-68154021	135.031	150.761	0.158978	0.804282
XLOC_011579	UQCRFS1	chr19:29698166-29704136	123.447	137.828	0.158978	0.806525
XLOC_003264	PGAP2	chr11:3696239-3847601	20.8806	23.3146	0.159073	0.911445
XLOC_005520	ANKRD52	chr12:56623819-56652143	5.12519	5.72275	0.159103	0.811969
XLOC_005778	UBC	chr12:125396191-125399587	526.854	588.379	0.159342	0.820487
XLOC_022563	MVB12B	chr9:129089122-129269320	5.70024	6.36594	0.159351	0.832068
XLOC_020668	ZNHIT1	chr7:100849257-100867471	155.269	173.41	0.159421	0.877654
XLOC_001433	PHC2	chr1:33789223-33841194	128.208	143.198	0.159531	0.8041
XLOC_005096	ATP2A2	chr12:110719031-110788897	14.1296	15.7828	0.159638	0.806301
XLOC_014440	SDF2L1	chr22:21996541-21998588	64.7913	72.3726	0.159643	0.824756
XLOC_016989	TMEM192	chr4:165997229-166034024	3.09586	3.45825	0.159701	0.840133
XLOC_022688	C9orf169	chr9:140119643-140120763	3.57245	3.99073	0.159738	0.925029
XLOC_008370	TCEB2	chr16:2821414-2827297	486.518	543.494	0.159769	0.825475
XLOC_011415	FDX1L	chr19:10420890-10426691	29.7948	33.2847	0.1598	0.836912
XLOC_000812	PEA15	chr1:160175124-160185162	103.148	115.237	0.159886	0.808953
XLOC_013177	RND3	chr2:151324706-151344209	5.70554	6.37462	0.159976	0.834266
XLOC_012965	FAM136A	chr2:70523107-70529220	32.9759	36.8455	0.160076	0.805402
XLOC_017950	STK10	chr5:171469073-171615346	7.15131	7.99075	0.160122	0.810183
XLOC_006728	DHRS4-AS1	chr14:24407939-24438488	2.43746	2.7238	0.160244	0.939451
XLOC_016202	MRFAP1	chr4:6641817-6644470	132.874	148.5	0.160399	0.806478
XLOC_022592	SET	chr9:131445933-131458675	306.068	342.072	0.160448	0.818403
XLOC_011892	CTU1	chr19:51600862-51611647	12.3959	13.8543	0.160471	0.849476
XLOC_010923	CEACAM19	chr19:45174723-45187627	11.0619	12.3635	0.160481	0.835
XLOC_021982	CEBPD	chr8:48649475-48650726	29.0662	32.4864	0.160492	0.847391
XLOC_009579	TLCD1	chr17:27046999-27053949	12.4224	13.8852	0.160604	0.983243
XLOC_020394	NUPL2	chr7:23221445-23240630	11.3154	12.6481	0.160624	0.835398
XLOC_021687	MTDH	chr8:98656406-98742488	26.1369	29.216	0.160672	0.809514
XLOC_000915	XPR1	chr1:180601145-180859415	1.79594	2.00761	0.160744	0.826133
XLOC_020788	NDUFB2	chr7:140395135-140406446	335.677	375.263	0.160826	0.804859
XLOC_018401	SMIM8	chr6:87992696-88052043	1.94886	2.17868	0.160826	0.880754
XLOC_004061	TMEM9B	chr11:8968839-8985989	16.0893	17.9875	0.160897	0.818547
XLOC_004307	MEN1	chr11:64570985-64578766	33.5719	37.5329	0.160901	0.806119
XLOC_003091	CHUK	chr10:101948123-101989344	3.17548	3.55078	0.161161	0.841774
XLOC_001141	EFCAB2	chr1:245133170-245288530	1.93312	2.16162	0.161183	0.909346
XLOC_009406	ITGAE	chr17:3617918-3704537	2.83297	3.16791	0.161216	0.893858
XLOC_001435	SMIM12	chr1:35315962-35325417	5.48178	6.12996	0.161233	0.814656
XLOC_007874	E4F1	chr16:2273566-2285743	16.8606	18.8561	0.161379	0.818775
XLOC_015095	TMA7	chr3:48481685-48485537	431.358	482.417	0.161394	0.804859
XLOC_022505	UGCG	chr9:114659205-114695433	6.66529	7.45426	0.161398	0.853422
XLOC_004496	DCUN1D5	chr11:102921412-102962944	4.61278	5.15936	0.161554	0.801665

XLOC_007239	TLN2	chr15:62939509-63136829	0.980064	1.09622	0.16159	0.854216
XLOC_006656	SIVA1	chr14:105219469-105225996	143.939	161	0.161604	0.801516
XLOC_011272	SBNO2	chr19:1107632-1174282	15.0276	16.8094	0.16165	0.809535
XLOC_023156	CAMSAP1	chr9:138700332-138799005	7.55074	8.44635	0.16171	0.806301
XLOC_021978	SLC20A2	chr8:42273979-42408140	5.52513	6.18076	0.161776	0.917559
XLOC_000094	VPS13D	chr1:12290112-12572098	0.812889	0.909361	0.161794	0.838891
XLOC_010878	HNRNPUL1	chr19:41768390-41813811	54.6889	61.1798	0.161806	0.80005
XLOC_015321	RAB7A	chr3:128444978-128533641	100.767	112.727	0.161806	0.804859
XLOC_022981	MRPL50	chr9:104152248-104160919	46.6458	52.1822	0.16181	0.800138
XLOC_022686	SSNA1	chr9:140069235-140084822	185.88	207.95	0.161863	0.851628
XLOC_003433	MDK	chr11:46402333-46405387	621.62	695.431	0.161873	0.802089
XLOC_007977	LOC81691	chr16:20775311-20860990	5.71932	6.39847	0.161885	0.907121
XLOC_015523	HES1	chr3:193853930-193856401	22.0302	24.6471	0.161935	0.831834
XLOC_022160	C8orf76,ZHX1,ZH	chr8:124232195-124287781	33.9334	37.9644	0.161944	0.832978
XLOC_007134	FAM98B	chr15:38746327-38777063	4.38947	4.91128	0.162052	0.869765
XLOC_017768	REEP5	chr5:112196884-112258031	24.7466	27.6885	0.162056	0.842396
XLOC_009294	ZACN	chr17:74075262-74099868	0.0613093	0.0686031	0.162167	1
XLOC_015596	HACL1	chr3:15602239-15643130	11.7396	13.137	0.162256	0.819248
XLOC_008794	FAM64A	chr17:6347734-6354385	14.1449	15.8287	0.162264	0.838557
XLOC_001777	ACP6	chr1:147119167-147142634	16.3261	18.2708	0.162362	0.820659
XLOC_013877	CRNKL1	chr20:20015011-20341346	4.79289	5.36408	0.162434	0.817992
XLOC_012273	ELMOD3	chr2:85581842-85618875	3.44681	3.85766	0.162465	0.870084
XLOC_017670	ELOVL7	chr5:60047615-60140101	3.67563	4.11376	0.162466	0.839471
XLOC_004745	KIAA1467	chr12:13197314-13236383	1.55179	1.73688	0.162567	0.865674
XLOC_021280	TSPAN12	chr7:120427373-120498177	1.327	1.48529	0.162576	0.889122
XLOC_006004	TFDP1	chr13:114239002-114295788	23.1563	25.9194	0.162624	0.802177
XLOC_023168	SEC16A	chr9:139334547-139380519	15.7437	17.6227	0.162658	0.800413
XLOC_005716	RBM19	chr12:114254542-114404176	12.5241	14.0189	0.162669	0.804859
XLOC_021272	LOC401397	chr7:112756772-112758637	72.6486	81.3197	0.16267	0.800869
XLOC_016488	EXOSC9	chr4:122722471-122745088	17.1341	19.1792	0.162676	0.905305
XLOC_020687	CDHR3	chr7:105603656-105676877	0.0355452	0.039788	0.162678	1
XLOC_007144	IVD	chr15:40697685-40713512	16.6554	18.644	0.162727	0.797218
XLOC_001187	NOC2L	chr1:861120-894679	71.3569	79.8794	0.16277	0.800169
XLOC_006377	KIAA0586	chr14:58862643-59015549	0.53318	0.59686	0.16277	0.970185
XLOC_016559	RAPGEF2	chr4:160188997-160281301	1.37848	1.54319	0.162843	0.852189
XLOC_018254	ZNF76	chr6:35227509-35263760	8.94723	10.0172	0.162967	0.821666
XLOC_008019	EIF3C,EIF3CL	chr16:28699878-28747053	1.29169	1.44621	0.163008	0.890882
XLOC_013852	FERMT1	chr20:6055491-6104191	4.87284	5.45583	0.163037	0.814132
XLOC_009050	TMEM99	chr17:38974368-38992526	9.39334	10.5178	0.163122	0.91252
XLOC_003299	SMPD1	chr11:6411643-6416228	5.99711	6.71501	0.163124	0.845446
XLOC_021269	TMEM168	chr7:112405786-112430478	4.08879	4.57883	0.163303	0.831834
XLOC_014167	DSCR9	chr21:38580803-38594037	0.068705	0.0769451	0.163414	1
XLOC_003172	C10orf88	chr10:124690418-124713919	1.06785	1.19595	0.163447	0.891012
XLOC_012801	SMC6	chr2:17845078-17935096	1.58807	1.77861	0.163471	0.845543
XLOC_010261	HSBP1L1	chr18:77724581-77730822	72.5754	81.2834	0.163479	0.804859
XLOC_010059	SECTM1	chr17:80278899-80291921	8.28955	9.2843	0.163499	0.850429
XLOC_015116	SEMA3B	chr3:50305039-50314572	0.546397	0.612015	0.163618	0.936985
XLOC_009179	TOM1L1	chr17:52978051-53046064	7.27554	8.14978	0.163708	0.922427
XLOC_023365	FTSJ1	chrX:48334548-48344752	30.5722	34.2465	0.163737	0.802089

XLOC_009387	TSR1	chr17:2207247-2240678	21.9218	24.558	0.16383	0.797588
XLOC_006253	PARP2	chr14:20811772-20826063	12.192	13.6586	0.163874	0.806119
XLOC_018368	LOC441155	chr6:64429875-66417118	0.119197	0.133541	0.163933	1
XLOC_006434	ACOT1	chr14:73945188-74025651	2.95073	3.30598	0.164004	0.95448
XLOC_014438	UBE2L3	chr22:21899957-21978323	42.0867	47.1539	0.164012	0.797899
XLOC_014557	MAFF	chr22:38597938-38612517	38.7543	43.4222	0.164074	0.802651
XLOC_018257	FANCE	chr6:35420137-35434881	13.8221	15.4877	0.164149	0.816563
XLOC_015734	RASSF1	chr3:50367216-50378367	17.9799	20.1468	0.164171	0.821721
XLOC_017268	DCP2	chr5:112312406-112824527	1.84496	2.06745	0.164261	0.823771
XLOC_006298	IRF9	chr14:24630421-24635774	2.40161	2.6915	0.164409	0.90073
XLOC_014667	MICAL3	chr22:18270415-18507325	3.99204	4.47391	0.16441	0.808127
XLOC_017659	PPAP2A	chr5:54603575-54830873	9.28226	10.4035	0.164523	0.94749
XLOC_001916	ISG20L2	chr1:156692412-156697705	13.0835	14.6658	0.164706	0.808394
XLOC_002046	RFWD2	chr1:175913966-176176370	8.78204	9.84438	0.164743	0.808394
XLOC_002526	SAMD8	chr10:76871392-76941881	3.37797	3.78694	0.164874	0.811969
XLOC_021728	DEPTOR	chr8:120885899-121063157	0.685354	0.768385	0.16498	0.915223
XLOC_016648	LYAR	chr4:4269428-4291896	26.3387	29.5311	0.165049	0.804648
XLOC_020907	GNA12	chr7:2767740-2883959	7.54846	8.4635	0.165071	0.813786
XLOC_003765	MED17	chr11:93517404-93546496	9.08504	10.1868	0.16513	0.810757
XLOC_003994	TRIM68	chr11:4619901-4629489	0.813683	0.912357	0.16513	0.901045
XLOC_003758	NAALAD2	chr11:89867817-89925779	0.048053	0.0538805	0.165139	1
XLOC_008597	PRSS54	chr16:58283839-58328951	0.73235	0.821177	0.165159	0.962958
XLOC_007639	IGDCC4	chr15:65673824-65715410	0.173219	0.194229	0.165168	1
XLOC_004390	ANAPC15	chr11:71709957-71823822	18.8041	21.0872	0.165317	0.965886
XLOC_011460	HOOK2	chr19:12873816-12886434	9.37051	10.5083	0.165329	0.831834
XLOC_018284	APOBEC2	chr6:41020939-41032630	0.0100795	0.0113038	0.165384	1
XLOC_003345	INSC	chr11:15133969-15268754	0.0260614	0.0292291	0.16549	1
XLOC_010335	SLC39A6	chr18:33688493-33709357	19.9747	22.4038	0.165571	0.798916
XLOC_011286	FAM108A1	chr19:1876974-1885518	98.0324	109.955	0.165584	0.786511
XLOC_013026	CD8A	chr2:87011727-87035519	0.104919	0.117685	0.165651	1
XLOC_004359	CDK2AP2	chr11:67273960-67276199	43.4159	48.6991	0.165672	0.818403
XLOC_015230	TRMT10C	chr3:101280679-101285290	24.9764	28.0159	0.165679	0.794882
XLOC_000220	GPR3	chr1:27719147-27722317	5.49304	6.16152	0.165683	0.852189
XLOC_002986	DNAJB12	chr10:74092587-74114907	14.8872	16.6994	0.165728	0.799165
XLOC_010945	VASP	chr19:46010687-46030240	56.9203	63.8506	0.165757	0.785865
XLOC_016927	MFSD8	chr4:128838959-128952455	1.13036	1.26803	0.165795	0.884031
XLOC_007562	SLC30A4	chr15:45774679-45848928	0.0855988	0.0960253	0.165823	1
XLOC_021494	NPM2	chr8:21882353-21894408	20.8583	23.4004	0.165916	0.828968
XLOC_002600	CEP55	chr10:95256368-95288849	11.4711	12.8692	0.165917	0.804859
XLOC_005744	POP5	chr12:121016847-121019201	27.629	30.997	0.165942	0.824472
XLOC_009971	RECQL5	chr17:73584138-73663269	6.2247	6.98379	0.166006	0.839214
XLOC_001458	GNL2	chr1:38022519-38061586	29.7064	33.3292	0.166012	0.785473
XLOC_007857	EME2	chr16:1823228-1826239	0.480274	0.538858	0.166048	0.963155
XLOC_010471	THOP1	chr19:2785505-2813599	73.2726	82.2112	0.166062	0.789321
XLOC_010103	LINC00667	chr18:5238098-5246505	3.28627	3.68718	0.166068	0.835937
XLOC_023351	USP11	chrX:47092313-47107727	11.4203	12.8137	0.166087	0.808953
XLOC_013785	ZGPAT	chr20:62289162-62367494	13.2789	14.8994	0.166127	0.929645
XLOC_018824	C6orf1	chr6:34214156-34216904	42.6841	47.8943	0.166154	0.810183
XLOC_010890	ARHGEF1	chr19:42387266-42411604	41.2268	46.2605	0.166201	0.800869

XLOC_019029	CD164	chr6:109687716-109703762	40.002	44.8865	0.166211	0.80005
XLOC_002666	LOC100505761	chr10:104209573-104216050	10.118	11.3535	0.16622	0.847871
XLOC_017811	PPP2CA	chr5:133532147-133561950	46.3211	51.9798	0.166283	0.79145
XLOC_012575	SATB2-AS1	chr2:200134222-200337481	0.00620812	0.00696666	0.166312	1
XLOC_010581	ILF3	chr19:10764936-10803095	62.9403	70.6323	0.166344	0.809535
XLOC_011545	TMEM161A	chr19:19230424-19249310	48.3669	54.2788	0.166369	0.794852
XLOC_017084	LOC100130744	chr5:14704908-14871887	0.568815	0.638371	0.166437	0.979792
XLOC_021314	TMEM209	chr7:129804554-129845338	6.64284	7.45548	0.166501	0.817528
XLOC_009943	SLC39A11	chr17:70642084-71088853	4.78317	5.36841	0.166527	0.839214
XLOC_006940	NDUFB1	chr14:92582467-92588153	166.451	186.823	0.166575	0.804694
XLOC_000673	C1orf51	chr1:150255228-150259501	0.417352	0.468433	0.166578	0.944779
XLOC_023849	GRIPAP1	chrX:48830133-48858675	11.1273	12.4893	0.166587	0.804859
XLOC_016833	SLC10A6	chr4:87744620-87770416	0.0158046	0.0177392	0.166596	1
XLOC_020353	WIPI2	chr7:5229834-5273486	27.6566	31.0424	0.16662	0.791893
XLOC_008981	TMEM98	chr17:31254927-31268667	44.9054	50.4042	0.166657	0.792996
XLOC_007522	NDUFAF1	chr15:41679546-41694658	14.0441	15.7656	0.166815	0.818547
XLOC_004957	SLC16A7	chr12:59989820-60183635	0.155255	0.174297	0.166909	1
XLOC_002501	EIF4EBP2	chr10:72163860-72188374	4.1041	4.60815	0.167122	0.806525
XLOC_013812	FKBP1A,SDCBP2	chr20:1290554-1373816	126.682	142.249	0.167212	0.786895
XLOC_010446	STK11	chr19:1205797-1228434	19.8958	22.3412	0.167242	0.806275
XLOC_021680	NDUFAF6	chr8:96037213-96070944	9.3307	10.4784	0.167367	0.825017
XLOC_006863	PIGH	chr14:68000007-68067017	14.6838	16.4908	0.167431	0.881023
XLOC_013484	SNPH	chr20:1246959-1289971	1.2802	1.43779	0.167485	0.880141
XLOC_023346	PHF16	chrX:46771735-46920641	2.30908	2.5936	0.167639	0.83838
XLOC_006767	PPP2R3C	chr14:35554677-35591519	17.3336	19.4703	0.16771	0.806031
XLOC_008742	C17orf97	chr17:260117-264457	7.06721	7.93861	0.167745	0.85718
XLOC_013082	TGFBRAP1	chr2:105883539-105946148	1.41725	1.59206	0.167794	0.890282
XLOC_004841	COX14	chr12:50505763-50514240	53.2145	59.7781	0.167799	0.80614
XLOC_013684	PIGT	chr20:44044706-44054885	62.0789	69.7363	0.167806	0.794882
XLOC_005242	NOP2	chr12:6666035-6677498	29.8583	33.5414	0.167814	0.79183
XLOC_008317	TMEM8A	chr16:420775-431950	30.1856	33.9106	0.167876	0.793783
XLOC_021548	ERLIN2	chr8:37594096-37615319	4.60288	5.17095	0.167894	0.806275
XLOC_009341	MRPL12	chr17:79670399-79674556	145.274	163.213	0.167978	0.783706
XLOC_017161	SLC30A5	chr5:68389775-68426899	5.8934	6.62128	0.168009	0.877848
XLOC_014956	HDAC11	chr3:13521714-13547924	8.9166	10.0185	0.168095	0.816962
XLOC_022333	TESK1	chr9:35605280-35618424	22.9546	25.7923	0.168155	0.805008
XLOC_017435	MFAP3	chr5:153418518-153437014	2.77859	3.12262	0.168404	0.824372
XLOC_009218	TLK2	chr17:60556385-60692841	4.05916	4.56203	0.168493	0.8146
XLOC_011700	GRIK5	chr19:42502467-42569957	0.525909	0.591062	0.168496	0.926279
XLOC_021634	STAU2-AS1	chr8:74332308-74659943	0.0183512	0.020625	0.168525	1
XLOC_007384	MRPS11	chr15:89010683-89021861	24.7302	27.7947	0.16854	0.804694
XLOC_021809	TMED10P1	chr8:146198974-146231432	0.114994	0.129247	0.168573	1
XLOC_007301	LOC440288	chr15:74753605-74773633	2.27276	2.55468	0.168696	0.902834
XLOC_011378	CTXN1	chr19:7989380-7991051	38.1289	42.859	0.16871	0.828968
XLOC_010027	ENTHD2	chr17:79202076-79212891	12.3856	13.9224	0.168752	0.824372
XLOC_014903	MAPK12	chr22:50691330-50700089	58.2958	65.5371	0.168919	0.785473
XLOC_022011	GGH	chr8:63927638-63951610	43.001	48.3451	0.168999	0.790595
XLOC_020787	ADCK2	chr7:140372952-140394908	38.8985	43.7333	0.169019	0.784594
XLOC_006822	WDHD1	chr14:55405655-55493819	2.14818	2.41528	0.169077	0.824472

XLOC_008874	PIGL	chr17:16120508-16229573	5.35332	6.01902	0.169095	0.879055
XLOC_014769	PES1	chr22:30972611-31003000	85.1169	95.7081	0.169195	0.785307
XLOC_004912	ORMDL2	chr12:56211805-56236767	21.6376	24.3304	0.169222	0.898731
XLOC_020894	COX19	chr7:1004485-1015235	3.98039	4.47583	0.169245	0.816962
XLOC_013413	NCL	chr2:232319458-232329205	266.079	299.202	0.169265	0.803809
XLOC_011459	C19orf43	chr19:12841453-12845529	277.353	311.895	0.169338	0.791956
XLOC_021087	LINC00174	chr7:65841030-65865395	1.03167	1.16019	0.169379	0.898032
XLOC_018139	ZKSCAN8	chr6:28109715-28125236	0.297686	0.334788	0.169458	1
XLOC_012528	HOXD8	chr2:176994421-176997423	3.31369	3.72685	0.169522	0.87763
XLOC_010307	TMEM241	chr18:20875978-21017925	2.81188	3.16258	0.169567	0.853269
XLOC_024108	MMGT1	chrX:135044230-135056134	6.3694	7.16389	0.169587	0.809368
XLOC_017267	SRP19	chr5:112196884-112258031	18.7036	21.0375	0.169644	0.924033
XLOC_015733	TUSC2	chr3:50362340-50365668	19.5332	21.9713	0.169692	0.80005
XLOC_010680	PGLS	chr19:17622431-17632097	139.043	156.409	0.169794	0.790722
XLOC_005903	FAM124A	chr13:51796469-51858377	0.00506027	0.00569232	0.169804	1
XLOC_010730	ZNF429	chr19:21688436-21721079	0.62494	0.703011	0.169831	0.908707
XLOC_020403	NFE2L3	chr7:26191846-26226756	3.38891	3.81227	0.169832	0.832978
XLOC_003877	UBASH3B	chr11:122526397-122685187	1.67441	1.88361	0.169845	0.835405
XLOC_008891	DRG2	chr17:17991180-18011299	27.0406	30.4199	0.16989	0.788779
XLOC_014027	DPM1	chr20:49551404-49575060	40.3871	45.435	0.169909	0.79145
XLOC_007965	TMC7	chr16:18995255-19075262	1.03134	1.16027	0.169946	0.877848
XLOC_006942	ITPK1	chr14:93403258-93582263	31.7646	35.7361	0.169964	0.779476
XLOC_020341	NUDT1	chr7:2281856-2290780	46.2209	52.0011	0.169998	0.818092
XLOC_015761	PBRM1	chr3:52579367-52719866	1.64314	1.8488	0.170133	0.821851
XLOC_013279	ORMDL1	chr2:190634992-190742355	20.3512	22.8996	0.170206	0.828523
XLOC_020367	RSPH10B2	chr7:6793739-6838396	0.0131979	0.0148511	0.170255	1
XLOC_004528	TIMM8B	chr11:111944967-111957522	48.3891	54.4515	0.170291	0.87368
XLOC_013535	SNRPB2	chr20:16710608-16722417	42.1847	47.4704	0.170309	0.78394
XLOC_018765	ABHD16A	chr6:31654725-31671137	26.5384	29.8637	0.17031	0.802089
XLOC_008363	RNPS1	chr16:2303099-2318413	131.874	148.402	0.170348	0.784261
XLOC_023908	LAS1L	chrX:64732461-64754686	25.1558	28.3123	0.170538	0.791133
XLOC_002417	CSGALNACT2	chr10:43633892-43680754	4.32763	4.87139	0.170758	0.816962
XLOC_004250	SYT7	chr11:61281187-61348344	2.87572	3.23722	0.170831	0.822512
XLOC_004535	ZW10	chr11:113603904-113644485	4.34009	4.88571	0.170842	0.821611
XLOC_019159	EZR	chr6:159186772-159240456	71.4281	80.4081	0.170849	0.78932
XLOC_005036	SNRPF	chr12:96252708-96260238	135.345	152.366	0.170899	0.780692
XLOC_005070	C12orf45	chr12:105380097-105388505	45.7444	51.5039	0.171086	0.809647
XLOC_005017	TMTC3	chr12:88536072-88593664	0.976069	1.09908	0.171241	0.851628
XLOC_013320	GCSHP3	chr2:206980296-206981296	2.48832	2.80197	0.171268	0.897332
XLOC_003097	NDUFB8	chr10:102283496-102289636	260.223	293.029	0.171293	0.785865
XLOC_010906	SRRM5	chr19:44111375-44124014	0.57341	0.64575	0.17141	0.967296
XLOC_002623	ZDHHC16	chr10:99205929-99217127	23.1939	26.1201	0.171413	0.799656
XLOC_009796	KANSL1	chr17:44107281-44302740	6.06484	6.83024	0.171467	0.796502
XLOC_001043	FLVCR1	chr1:213031596-213072705	3.02301	3.40482	0.171596	0.809535
XLOC_014909	SCO2,TYMP	chr22:50946644-50968514	70.7163	79.65	0.17163	0.879055
XLOC_021110	CLDN3	chr7:73183326-73184600	1.4636	1.64852	0.171651	0.938232
XLOC_005163	OGFOD2	chr12:123459353-123464588	7.82854	8.81766	0.171652	0.843736
XLOC_022552	LOC100129034	chr9:127115743-12717752	18.0583	20.3409	0.17172	0.917559
XLOC_010660	RAB8A	chr19:16222489-16244445	26.1812	29.4905	0.171721	0.789065

XLOC_016639	TNIP2	chr4:2743386-2758103	44.3211	49.9234	0.171724	0.777535
XLOC_021529	ESCO2	chr8:27632057-27662424	2.47329	2.78593	0.171724	0.842396
XLOC_003548	DAGLA	chr11:61447904-61514474	1.41965	1.59912	0.171743	0.868825
XLOC_004098	SAAL1	chr11:18101889-18127638	19.393	21.845	0.171777	0.794913
XLOC_004152	TP53I11	chr11:44785975-44972857	11.8816	13.3853	0.17192	0.793469
XLOC_021426	ZNF596	chr8:158344-197339	0.4479	0.504587	0.171927	0.963003
XLOC_021482	SLC7A2	chr8:17354596-17428077	3.03382	3.4178	0.171931	0.802621
XLOC_005734	GCN1L1	chr12:120565013-120632513	14.9344	16.8246	0.171934	0.775951
XLOC_017249	FAM174A	chr5:99871123-99922440	6.90015	7.77437	0.172098	0.860412
XLOC_014638	CRELD2	chr22:50312282-50321186	11.7083	13.1918	0.172109	0.844172
XLOC_018041	SNRNP48	chr6:7590431-7612200	3.79467	4.27549	0.172113	0.8146
XLOC_009144	SNX11	chr17:46184919-46200105	8.464	9.53739	0.172256	0.811033
XLOC_003542	TMEM216	chr11:61159831-61166335	30.0555	33.8683	0.172309	0.795788
XLOC_013250	NFE2L2	chr2:178095030-178129859	12.0562	13.5902	0.172781	0.798205
XLOC_018736	TRIM26	chr6:30152231-30181271	14.2769	16.0942	0.172863	0.785865
XLOC_002993	MRPS16	chr10:75007124-75118617	36.389	41.0227	0.172922	0.779038
XLOC_022535	MRRF	chr9:125001833-125085742	42.5038	47.9181	0.172982	0.831834
XLOC_006421	SMOC1	chr14:70346113-70499083	0.0047911	0.00540151	0.173006	1
XLOC_014670	PRODH	chr22:18900286-18924066	1.01204	1.14098	0.17301	0.912629
XLOC_008755	HIC1	chr17:1958392-1962981	4.8304	5.44586	0.173018	0.872122
XLOC_021776	ZFP41	chr8:144328990-144344875	4.12678	4.6529	0.173114	0.844936
XLOC_023095	PTGES2	chr9:130882971-130890741	164.74	185.747	0.173149	0.78316
XLOC_000337	KDM4A	chr1:44115796-44173012	6.27684	7.07744	0.173189	0.796502
XLOC_001345	HTR1D	chr1:23518387-23521222	0.00653512	0.0073692	0.173295	1
XLOC_000323	YBX1	chr1:43148065-43168020	644.401	726.72	0.173442	0.788523
XLOC_018843	PPIL1	chr6:36822605-36842800	23.2028	26.1702	0.17363	0.780656
XLOC_017165	CDK7	chr5:68530621-68573257	40.967	46.2074	0.17366	0.779038
XLOC_007998	DCTN5	chr16:23652686-23685068	5.8797	6.63192	0.173682	0.779704
XLOC_011849	IL4I1,NUP62	chr19:50392912-50437193	22.5663	25.4554	0.1738	0.945857
XLOC_001206	SSU72	chr1:1477052-1510262	139.622	157.503	0.173844	0.777535
XLOC_011332	C19orf10	chr19:4657556-4670415	131.53	148.374	0.173852	0.774876
XLOC_006693	ZNF219	chr14:21558204-21572863	17.3075	19.5247	0.173903	0.805462
XLOC_001406	SDC3	chr1:31342312-31381480	4.54199	5.12411	0.173977	0.805462
XLOC_022092	RBM12B	chr8:94743730-94753224	2.72917	3.07911	0.174047	0.823431
XLOC_023355	TIMP1	chrX:47420498-47479256	551.809	622.569	0.174065	0.792429
XLOC_001208	CDK11A,CDK11B	chr1:1571099-1655791	15.7012	17.7151	0.174112	0.870063
XLOC_023165	SNAPC4	chr9:139270028-139292889	13.1538	14.8414	0.174144	0.783744
XLOC_003408	C11orf74	chr11:36613492-36680817	10.2285	11.5408	0.174146	0.847547
XLOC_006431	PSEN1	chr14:73603142-73690399	5.82259	6.56975	0.174179	0.791956
XLOC_020342	EIF3B	chr7:2394473-2420377	75.6407	85.3473	0.174182	0.776418
XLOC_019062	MAN1A1	chr6:119498365-119670931	1.23978	1.39894	0.174255	0.856927
XLOC_012128	YIPF4	chr2:32502957-32531658	14.4523	16.3081	0.174295	0.796286
XLOC_000178	PITHD1	chr1:24104875-24114722	30.9932	34.9742	0.174337	0.783527
XLOC_010934	CLPTM1	chr19:45457841-45496604	41.9818	47.3783	0.174462	0.773721
XLOC_003073	RRP12	chr10:99116457-99161127	12.8903	14.5474	0.174467	0.786829
XLOC_001194	SDF4	chr1:1152287-1167447	83.3479	94.0714	0.17461	0.773159
XLOC_022781	NDUFB6	chr9:32553523-32573182	56.1669	63.3936	0.174617	0.781266
XLOC_005902	RNASEH2B	chr13:51456514-51544596	19.9987	22.5719	0.174623	0.785963
XLOC_013246	HOXD-AS2	chr2:176999568-177001826	7.50891	8.47514	0.174633	0.905839

XLOC_017211	CMYA5	chr5:78985658-79096049	0.00196984	0.00222332	0.174642	1
XLOC_003857	TRAPPC4	chr11:118889240-118894385	51.5124	58.1414	0.174646	0.783327
XLOC_008749	PITPNA-AS1	chr17:1420212-1466110	11.8901	13.4202	0.174648	0.96513
XLOC_006734	CHMP4A	chr14:24678786-24683036	33.3996	37.6993	0.174707	0.782409
XLOC_012010	ZNF132	chr19:58944180-58951589	0.21919	0.247407	0.174707	1
XLOC_008845	PFAS	chr17:8152595-8173809	9.3366	10.5391	0.174776	0.783744
XLOC_003661	CARNS1	chr11:67183148-67193078	0.0688749	0.0777453	0.174778	1
XLOC_012964	SNRPG	chr2:70508505-70520869	244.425	275.907	0.17479	0.777261
XLOC_018354	LRRC1	chr6:53659777-53788919	3.19133	3.60252	0.174849	0.831834
XLOC_006226	TUBGCP3	chr13:113139327-113242481	3.18553	3.59612	0.174909	0.821611
XLOC_022789	NOL6	chr9:33461350-33473941	9.65357	10.8984	0.174976	0.773721
XLOC_011264	POLRMT	chr19:617222-633568	38.9106	43.9296	0.17503	0.775951
XLOC_017508	ZNF346	chr5:176449696-176493745	3.1421	3.54767	0.175143	0.839003
XLOC_019091	SLC18B1	chr6:133090506-133119747	9.29061	10.4905	0.175235	0.803136
XLOC_002467	TFAM	chr10:60144902-60158990	6.42947	7.2599	0.175251	0.775951
XLOC_009759	LINC00854	chr17:41373436-41381062	0.0163196	0.0184275	0.175256	1
XLOC_012755	ATG4B	chr2:242577026-242613271	23.3454	26.3614	0.175289	0.782177
XLOC_006914	SPTLC2	chr14:77972339-78083110	6.61761	7.47281	0.175339	0.774294
XLOC_018543	STXBP5	chr6:147162524-147711612	0.518661	0.585688	0.17534	0.860615
XLOC_003118	NT5C2	chr10:104847773-104953063	6.50488	7.34553	0.175345	0.79507
XLOC_000341	DPH2	chr1:44435652-44439043	22.5943	25.5144	0.175351	0.780964
XLOC_011292	PLEKHJ1	chr19:2233154-2236328	96.356	108.811	0.175375	0.7704
XLOC_001199	DVL1	chr1:1270657-1284492	77.3004	87.2964	0.175445	0.773721
XLOC_012170	LOC388948	chr2:47043806-47049799	0.016123	0.0182099	0.175598	1
XLOC_018772	VAR5	chr6:31745296-31763712	62.119	70.1666	0.17575	0.778822
XLOC_000115	FHAD1	chr1:15573767-15724622	2.38152	2.6901	0.175776	0.832978
XLOC_018558	AKAP12	chr6:151561133-151679694	1.06979	1.20851	0.175904	0.832978
XLOC_002612	ENTPD1	chr10:97471535-97849992	1.03688	1.17138	0.175957	0.880754
XLOC_007390	ABHD2	chr15:89631380-89745591	2.69416	3.0441	0.176179	0.79796
XLOC_000312	NFYC	chr1:41154751-41237275	17.6639	19.9583	0.176187	0.798022
XLOC_014543	GGA1	chr22:38004480-38029571	28.5843	32.2978	0.17621	0.774294
XLOC_022794	DCAF12	chr9:34086380-34126771	9.79472	11.0673	0.176228	0.782475
XLOC_003074	EXOSC1	chr10:99195665-99205768	27.7007	31.3001	0.176247	0.7898
XLOC_009537	TOP3A	chr17:18177234-18218321	3.96456	4.4799	0.176305	0.8146
XLOC_009913	TEX2	chr17:62224794-62340653	3.00055	3.39063	0.176327	0.809426
XLOC_009733	NT5C3B	chr17:39981333-39992523	55.9157	63.1922	0.176492	0.773721
XLOC_001865	JTB	chr1:153931574-153950451	154.776	174.922	0.176526	0.883935
XLOC_024155	TMEM185A	chrX:148678215-148713487	5.43399	6.14141	0.176558	0.831614
XLOC_007950	BFAR	chr16:14726667-14763093	18.6188	21.0464	0.176809	0.772159
XLOC_000579	KCNC4	chr1:110753335-110776674	3.53965	4.0016	0.176969	0.844936
XLOC_020571	DTX2	chr7:76090971-76135312	10.2219	11.5566	0.177051	0.818658
XLOC_009761	ETV4	chr17:41605210-41623800	62.0048	70.1023	0.177083	0.76912
XLOC_009736	DNAJC7	chr17:40118758-40190044	34.078	38.5297	0.177131	0.899621
XLOC_007759	KLHL25	chr15:86302558-86338189	2.77697	3.13974	0.177134	0.85253
XLOC_008508	GDPD3	chr16:30116130-30124878	1.04584	1.18266	0.177368	0.933369
XLOC_018391	TPBG	chr6:83072922-83077133	10.4844	11.8563	0.177409	0.793248
XLOC_002344	DHTKD1	chr10:12110933-12165224	3.32503	3.76015	0.177421	0.805817
XLOC_006894	KIAA0317	chr14:75127954-75179807	4.9406	5.58736	0.177479	0.783527
XLOC_008171	E2F4	chr16:67226067-67232821	53.625	60.6457	0.1775	0.773016

XLOC_006534	WDR25	chr14:100842754-100996640	4.35507	4.9253	0.177516	0.852718
XLOC_017815	PITX1	chr5:134363423-134369964	28.2732	31.9753	0.177521	0.790404
XLOC_006979	MOK	chr14:102690833-102771537	10.4242	11.7906	0.177697	0.833653
XLOC_015957	TOPBP1	chr3:133319448-133380737	6.16253	6.97074	0.177788	0.774294
XLOC_022607	TOR1B	chr9:132565431-132573560	18.5078	20.9359	0.177849	0.775951
XLOC_007119	CHRNA7	chr15:32322685-32462384	1.37262	1.55271	0.177853	0.880754
XLOC_006059	HMGB1	chr13:31032878-31040081	83.7016	94.6891	0.177943	0.774876
XLOC_016863	DNAJB14	chr4:100820709-100867879	1.18792	1.3439	0.177997	0.879055
XLOC_017567	NSUN2	chr5:6599351-6633473	24.0576	27.2178	0.178057	0.773721
XLOC_014967	NR2C2	chr3:14984285-15106816	1.37685	1.55774	0.178083	0.954535
XLOC_009459	GPS2	chr17:7215977-7218658	38.1586	43.1724	0.1781	0.777932
XLOC_012945	SPRED2	chr2:65537984-65659656	9.31241	10.5363	0.178148	0.774227
XLOC_021228	CLDN15	chr7:100875372-100882101	11.6032	13.1284	0.178171	0.838902
XLOC_003010	COMTD1	chr10:76993728-76995770	46.3118	52.4011	0.178219	0.816181
XLOC_013979	SERINC3	chr20:43124863-43150726	16.5434	18.7205	0.178365	0.784528
XLOC_002339	TAF3	chr10:7860466-8057016	2.20086	2.49069	0.17848	0.847523
XLOC_011698	RABAC1	chr19:42460832-42463528	136.733	154.74	0.178486	0.774294
XLOC_003356	GTF2H1	chr11:18343815-18388590	9.0102	10.1972	0.17854	0.78394
XLOC_011352	PSPN	chr19:6375304-6375860	0.564381	0.63877	0.178626	0.974073
XLOC_017689	GTF2H2	chr5:70330950-70363497	0.946817	1.07162	0.178641	0.89536
XLOC_023134	MED22	chr9:136207754-136214972	39.9463	45.2144	0.17872	0.816181
XLOC_009776	SLC25A39	chr17:42396992-42402217	372.843	422.037	0.1788	0.771618
XLOC_000090	MFN2	chr1:12040237-12073572	9.72477	11.008	0.178812	0.76757
XLOC_023280	TXLNG	chrX:16804554-16862642	12.2513	13.868	0.178826	0.765759
XLOC_023344	CHST7	chrX:46433191-46457838	0.996788	1.12838	0.178891	0.922274
XLOC_012375	MERTK	chr2:112656190-112786945	0.847811	0.959746	0.17891	0.882803
XLOC_011271	POLR2E	chr19:1065921-1095391	79.0624	89.5052	0.178979	0.818403
XLOC_015097	ARIH2	chr3:48955220-49022971	16.3172	18.4734	0.179057	0.771286
XLOC_007809	SNRNP25	chr16:103828-107669	27.8112	31.4901	0.179233	0.790054
XLOC_002836	TRDMT1	chr10:17184981-17244070	0.569284	0.644598	0.179251	0.864484
XLOC_016978	C4orf46	chr4:159587830-159593202	4.06867	4.60709	0.1793	0.8139
XLOC_006633	ZNF839	chr14:102783713-102809511	5.06135	5.7312	0.179314	0.804816
XLOC_018445	AMD1	chr6:111195986-111216913	19.9263	22.5638	0.179338	0.766913
XLOC_010681	FAM129C	chr19:17634109-17664648	0.168228	0.190495	0.179339	1
XLOC_022868	CBWD3,CBWD5	chr9:70431999-70490177	2.19465	2.48533	0.179442	0.868932
XLOC_000146	PQLC2	chr1:19638739-19655794	26.6826	30.218	0.179511	0.783531
XLOC_005664	GLT8D2	chr12:104382764-104443915	0.170226	0.19279	0.179575	1
XLOC_015087	KLHL18	chr3:47205859-47388306	4.08897	4.63202	0.179904	0.834266
XLOC_001237	ICMT	chr1:6266188-6296044	11.3744	12.8853	0.179939	0.783739
XLOC_017832	HNRNPA0	chr5:137087072-137090039	49.4739	56.0598	0.180301	0.763906
XLOC_020683	PSMC2	chr7:102987970-103086624	31.095	35.2378	0.180445	0.756518
XLOC_012832	CIB4	chr2:26804072-26864211	0.0280841	0.0318271	0.180501	1
XLOC_023126	DDX31	chr9:135469675-135565470	15.82	17.9287	0.180517	0.845932
XLOC_013956	RBL1	chr20:35626177-35724410	0.498799	0.565343	0.180667	0.886619
XLOC_021604	CHD7	chr8:61591323-61780586	1.67019	1.89326	0.180862	0.790372
XLOC_022812	PIGO	chr9:35088684-35096598	9.57713	10.8569	0.180944	0.800869
XLOC_020428	FAM188B,INMT	chr7:30791750-30932002	0.955588	1.08334	0.181031	0.890507
XLOC_005763	HCAR3	chr12:123199302-123201439	0.0117427	0.013313	0.181068	1
XLOC_004910	BLOC1S1,RDH5	chr12:56109817-56118526	108.073	122.531	0.181146	0.772699

XLOC_017350	UBE2D2	chr5:138940750-139008018	34.8373	39.4982	0.181153	0.761869
XLOC_016034	LXN	chr3:158362316-158410360	8.81875	9.99883	0.181186	0.913887
XLOC_014566	APOBEC3G	chr22:39473009-39483748	0.00945224	0.0107175	0.181243	1
XLOC_009469	KCNAB3	chr17:7825176-7832753	0.678356	0.76919	0.181297	0.91015
XLOC_023793	ACOT9	chrX:23721776-23761407	27.393	31.0628	0.181379	0.764196
XLOC_023611	SLC25A14	chrX:129474046-129507335	5.94449	6.74086	0.181379	0.832615
XLOC_023717	DKC1	chrX:153991030-154005964	41.6668	47.25	0.181417	0.765218
XLOC_014803	TST	chr22:37406899-37425863	78.9556	89.5374	0.18145	0.890882
XLOC_008637	DDX28	chr16:68055176-68113226	16.2182	18.3931	0.181558	0.85132
XLOC_003192	MKI67	chr10:129894924-129924468	8.27303	9.38337	0.181692	0.762618
XLOC_009289	SAP30BP	chr17:73663398-73704139	23.5346	26.694	0.181731	0.765374
XLOC_009470	TRAPPC1	chr17:7833662-7835317	141.831	160.876	0.181784	0.761614
XLOC_014586	ZC3H7B	chr22:41697506-41756151	9.7371	11.0449	0.181821	0.770773
XLOC_010781	USF2	chr19:35759895-35770718	93.5809	106.151	0.181832	0.761533
XLOC_004141	APIP	chr11:34903842-35017675	12.9152	14.6517	0.181997	0.898731
XLOC_012103	NRBP1	chr2:27651472-27665124	53.4235	60.6089	0.182055	0.759631
XLOC_018158	LOC554223	chr6:29758807-29765584	0.0405177	0.0459687	0.182098	1
XLOC_003265	STIM1	chr11:3876932-4114440	8.75739	9.93649	0.182236	0.779038
XLOC_000091	MIP	chr1:12079298-12092106	32.5233	36.9025	0.182244	0.774227
XLOC_017100	RAI14	chr5:34656432-34832717	5.23232	5.93716	0.182324	0.777864
XLOC_011686	C19orf54	chr19:41223007-41255828	8.07744	9.16574	0.182354	0.860285
XLOC_011152	MYADM	chr19:54369610-54379689	43.1246	48.935	0.182358	0.766907
XLOC_020811	CLCN1	chr7:143013218-143049097	0.00640296	0.00726696	0.182614	1
XLOC_022500	FAM206A	chr9:111696672-111703237	19.0356	21.605	0.182664	0.767689
XLOC_022219	NAPRT1	chr8:144656954-144660513	65.6405	74.5049	0.182749	0.765718
XLOC_015751	POC1A	chr3:52109248-52188706	15.6082	17.7165	0.182794	0.783527
XLOC_020469	YKT6	chr7:44240577-44253893	30.4972	34.6174	0.18282	0.757708
XLOC_023786	EIF1AX	chrX:20142635-20159966	31.6364	35.9124	0.182893	0.759419
XLOC_010580	SLC44A2	chr19:10713120-10755235	17.4381	19.7954	0.182928	0.76757
XLOC_014413	TANGO2	chr22:20008630-20053447	10.1616	11.5361	0.183023	0.786446
XLOC_020758	MEST	chr7:130126015-130371406	14.1392	16.053	0.183141	0.84864
XLOC_011195	U2AF2	chr19:56165415-56186082	61.9635	70.3555	0.183245	0.755384
XLOC_009164	EME1	chr17:48450580-48474914	1.70723	1.93854	0.183307	0.977897
XLOC_011767	SYMPK	chr19:46318699-46366548	19.0222	21.6011	0.183422	0.762698
XLOC_003568	TMEM179B	chr11:62554873-62559486	60.1376	68.2908	0.183425	0.783706
XLOC_004401	UCP2	chr11:73685715-73693889	58.8978	66.883	0.183426	0.758486
XLOC_006062	ZAR1L	chr13:32877907-32886091	0.0217889	0.0247454	0.183569	1
XLOC_022942	NINJ1	chr9:95883770-95896570	61.2428	69.553	0.183572	0.764492
XLOC_022837	TOMM5	chr9:37588411-37592636	104.316	118.474	0.183602	0.759979
XLOC_005119	PLBD2	chr12:113796370-113827458	9.50882	10.7994	0.183607	0.787246
XLOC_014007	SLC35C2	chr20:44978176-44993064	29.8735	33.9297	0.183686	0.770074
XLOC_000627	FAM72B	chr1:120839004-120855681	1.26695	1.43899	0.183702	0.879438
XLOC_002486	CCAR1	chr10:70480970-70551309	6.69899	7.60876	0.183718	0.767223
XLOC_012552	FAM171B	chr2:187558788-187628512	0.178182	0.202382	0.183734	1
XLOC_010258	NFATC1	chr18:77155771-77289323	2.95407	3.35535	0.183762	0.869722
XLOC_006498	TMEM251	chr14:93651295-93653431	22.989	26.1174	0.184065	0.797218
XLOC_014800	IFT27	chr22:37154245-37172177	9.84936	11.19	0.184114	0.840008
XLOC_013553	NAA20	chr20:19997933-20014273	86.726	98.5376	0.18421	0.754905
XLOC_001902	UBQLN4	chr1:156005091-156023516	28.0376	31.8564	0.184221	0.757708

XLOC_010259	CTDP1	chr18:77439800-77514510	10.8821	12.3643	0.184226	0.780692
XLOC_009275	ICT1	chr17:73008779-73017356	46.821	53.1984	0.184227	0.773016
XLOC_005733	RAB35	chr12:120532898-120554643	22.1358	25.1512	0.184244	0.756395
XLOC_012631	XRCC5	chr2:216974019-217071016	77.4825	88.0386	0.184266	0.764196
XLOC_011242	ZNF544	chr19:58740069-58775008	4.26268	4.84353	0.184297	0.797588
XLOC_011201	ZNF444	chr19:56652534-56672262	23.456	26.6526	0.184317	0.783744
XLOC_009356	FOXK2	chr17:80477593-80562483	17.5819	19.9782	0.184338	0.75831
XLOC_008646	NQO1	chr16:69743303-69760533	20.9874	23.8491	0.184415	0.763798
XLOC_008691	CMC2	chr16:81009698-81066709	49.6009	56.3661	0.184446	0.881554
XLOC_023962	HMG5	chrX:80369199-80554046	1.89667	2.15568	0.184676	0.951854
XLOC_015687	CCDC51	chr3:48473579-48481529	17.0873	19.4217	0.184749	0.784528
XLOC_007883	TBC1D24	chr16:2525146-2555734	3.03092	3.44501	0.184752	0.804051
XLOC_018873	C6orf132	chr6:42068856-42110715	4.01773	4.56672	0.184779	0.778856
XLOC_016622	LOC100129917	chr4:773936-775636	0.1764	0.200506	0.184789	1
XLOC_004759	PLEKHA5	chr12:19282625-19529333	1.46832	1.66902	0.184831	0.840433
XLOC_024098	MOSPD1	chrX:134021661-134049297	3.05925	3.47745	0.184852	0.833765
XLOC_013098	LINC00116	chr2:110969105-110980517	13.018	14.7984	0.184934	0.785865
XLOC_007120	ARHGAP11A	chr15:32907690-32931868	5.60996	6.37771	0.185049	0.765759
XLOC_002815	UPF2	chr10:11962020-12085169	4.75635	5.40738	0.185074	0.76721
XLOC_021206	C7orf43	chr7:99752042-99756302	9.61342	10.9294	0.185093	0.802621
XLOC_017355	CYSTM1	chr5:139554652-139623374	87.1767	99.1192	0.185221	0.756508
XLOC_013678	STK4	chr20:43595119-43708593	7.08795	8.05975	0.185366	0.764456
XLOC_017848	DNAJC18	chr5:138745891-138775214	1.98485	2.25706	0.185414	0.816944
XLOC_001997	GPA33	chr1:167022081-167059868	0.015255	0.0173476	0.18545	1
XLOC_003711	POLD3	chr11:74303574-74354105	1.86787	2.12425	0.185562	0.831834
XLOC_016039	SCARNA7	chr3:160212782-160283376	18.2258	20.7286	0.185645	0.975063
XLOC_002604	SLC35G1	chr10:95653729-95662491	2.55877	2.91016	0.185647	0.845446
XLOC_016255	NCAPG	chr4:17812435-18023483	5.16498	5.8743	0.185654	0.839812
XLOC_000619	MAN1A2	chr1:117910084-118068320	0.795144	0.904439	0.185807	0.860592
XLOC_017706	WDR41	chr5:76728068-76788332	11.5949	13.1888	0.185826	0.764196
XLOC_010805	LRFN3	chr19:36428021-36436097	11.3478	12.9082	0.18587	0.809839
XLOC_021509	LOC286059	chr8:22844929-22941132	0.0548037	0.0623406	0.185899	1
XLOC_011333	DPP9	chr19:4675243-4723855	14.636	16.6496	0.185965	0.757708
XLOC_013901	ABHD12	chr20:25228705-25371618	38.5791	43.8881	0.18601	0.886468
XLOC_014401	TUBA8	chr22:18593452-18614498	5.6315	6.40692	0.186111	0.818547
XLOC_008447	C16orf88	chr16:19717673-19868859	6.24428	7.10421	0.186141	0.848628
XLOC_000633	SEC22B	chr1:145096406-145116997	12.6914	14.4401	0.186222	0.775896
XLOC_023369	RBM3	chrX:48432740-48439553	70.2558	79.9428	0.186351	0.757708
XLOC_011285	KLF16	chr19:1852397-1863564	49.2836	56.0791	0.186355	0.755918
XLOC_002345	SEC61A2	chr10:12171639-12292589	7.88095	8.96822	0.186451	0.969954
XLOC_020674	ORAI2	chr7:102073976-102105321	3.63679	4.1388	0.186548	0.824472
XLOC_003236	CD151	chr11:832951-838835	359.62	409.28	0.186615	0.756518
XLOC_011812	CA11	chr19:49141271-49185502	13.972	15.9026	0.186725	0.796161
XLOC_020664	TRIM56	chr7:100728785-100733889	1.5176	1.72732	0.186752	0.871917
XLOC_000113	KAZN	chr1:14925212-15478960	5.73001	6.52258	0.186905	0.799656
XLOC_013735	RAE1	chr20:55904830-55998278	27.658	31.4839	0.186914	0.859038
XLOC_008312	NPRL3	chr16:127017-188697	43.647	49.6864	0.186967	0.885904
XLOC_001054	RRP15	chr1:218458628-218511325	1.02668	1.16885	0.187104	0.813083
XLOC_015158	SLMAP	chr3:57743173-57914894	4.5469	5.17671	0.187153	0.774876

XLOC_003119	PCGF6	chr10:105062552-105110891	9.4238	10.7294	0.187193	0.776837
XLOC_013406	TRIP12	chr2:230631929-230786655	9.08035	10.3388	0.187248	0.751293
XLOC_004861	KRT18	chr12:53290970-53346685	204.744	233.126	0.187289	0.780964
XLOC_003007	AP3M1	chr10:75880014-75910826	6.1288	6.97897	0.18741	0.765759
XLOC_000057	ZBTB48	chr1:6640062-6649340	10.7737	12.269	0.187505	0.781103
XLOC_017000	AADAT	chr4:170981372-171011372	6.03463	6.8722	0.187506	0.797341
XLOC_005297	CSDA	chr12:10851675-10875953	134.843	153.566	0.187583	0.757207
XLOC_016601	TLR3	chr4:186990308-187006252	0.180699	0.205799	0.187646	1
XLOC_016709	TLR6	chr4:38825328-38858438	0.67738	0.771492	0.187685	0.855739
XLOC_016247	CC2D2A	chr4:15471488-15603180	3.51004	3.998	0.18779	0.864624
XLOC_005172	GTF2H3	chr12:124105569-124147151	8.85306	10.0845	0.187886	0.858806
XLOC_006376	TOMM20L	chr14:58862643-59015549	0.98757	1.12503	0.188003	0.984602
XLOC_003366	PRMT3	chr11:20409075-20530879	4.25777	4.85056	0.188053	0.799962
XLOC_009967	MIF4GD	chr17:73232693-73267311	24.1213	27.4803	0.18809	0.916694
XLOC_002184	GPATCH2	chr1:217603833-217804409	1.05819	1.20555	0.188095	0.879478
XLOC_018732	ZNRD1-AS1	chr6:29968787-30028961	0.55462	0.631893	0.188181	0.943284
XLOC_011517	NR2F6	chr19:17342693-17356151	107.17	122.104	0.188206	0.748337
XLOC_000078	PEX14	chr1:10535002-10690815	21.8934	24.9457	0.188295	0.76721
XLOC_016282	KLHL5	chr4:39046450-39127853	1.44626	1.648	0.188392	0.801756
XLOC_012079	EFR3B	chr2:25264972-25382004	0.193864	0.220909	0.188405	1
XLOC_023467	ACRC	chrX:70430034-70948962	0.187005	0.213129	0.188648	1
XLOC_006941	LGMN	chr14:93170151-93215047	26.0154	29.6499	0.188658	0.751445
XLOC_007401	NGRN	chr15:90808894-90815443	59.6798	68.0177	0.188668	0.745223
XLOC_000215	TRNP1	chr1:27320194-27327377	14.2623	16.256	0.188769	0.784985
XLOC_010054	DUS1L	chr17:80015747-80023697	59.2519	67.5358	0.18879	0.751484
XLOC_007854	HN1L	chr16:1728277-1752073	18.5809	21.1787	0.188791	0.749866
XLOC_021632	TERF1	chr8:73921096-73959987	11.7362	13.377	0.188798	0.762181
XLOC_004921	PA2G4	chr12:56498102-56507694	121.655	138.665	0.188801	0.748287
XLOC_002219	CDC42BPA	chr1:227177565-227505826	2.26491	2.58159	0.188805	0.770074
XLOC_014292	SCAF4	chr21:33043312-33104431	7.98598	9.10285	0.188849	0.770768
XLOC_001420	TMEM234	chr1:32681797-32687926	4.53328	5.16771	0.188969	0.865957
XLOC_005812	C1QTNF9B-AS1	chr13:24304327-24471125	0.162521	0.18527	0.189008	1
XLOC_023136	SURF4	chr9:136228339-136242970	143.13	163.166	0.189012	0.743519
XLOC_018210	C6orf48	chr6:31802692-31807541	341.712	389.549	0.189023	0.749866
XLOC_010866	SHKBP1	chr19:41082756-41097305	74.1325	84.5211	0.189206	0.736305
XLOC_005728	WSB2	chr12:118470491-118498951	18.4809	21.0713	0.189243	0.748287
XLOC_013350	MREG	chr2:216807313-216878346	6.55018	7.46847	0.189278	0.781269
XLOC_017436	GALNT10	chr5:153570294-153825382	1.83856	2.09638	0.189324	0.810757
XLOC_000156	PINK1	chr1:20959947-20978004	17.8847	20.3949	0.18948	0.754942
XLOC_012540	TTN-AS1	chr2:179059207-179672150	0.116214	0.132529	0.189529	1
XLOC_017288	SNX24	chr5:122181159-122344902	11.7302	13.3773	0.189565	0.774227
XLOC_006342	MGAT2	chr14:50087488-50090199	16.1047	18.3666	0.189606	0.753077
XLOC_002230	HIST3H2A	chr1:228645064-228645560	33.6066	38.3269	0.189612	0.852189
XLOC_001766	GNRHR2	chr1:145507556-145516076	5.18877	5.91784	0.189679	0.921691
XLOC_005936	UCHL3	chr13:76123615-76180156	49.8531	56.8592	0.189711	0.748337
XLOC_002179	FLVCR1-AS1	chr1:213029945-213031480	2.40669	2.74494	0.189723	0.89785
XLOC_014518	YWHAH	chr22:32329506-32353590	60.6805	69.215	0.189851	0.741465
XLOC_012462	ACVR2A	chr2:148602569-149271044	0.683391	0.779557	0.189942	0.951036
XLOC_015278	ADPRH	chr3:119298522-119308792	0.916914	1.04598	0.190002	0.871053

XLOC_020786	RAB19	chr7:140103842-140126050	0.0205032	0.0233901	0.190052	1
XLOC_018507	SNORA33	chr6:133135707-133138703	15.4391	17.6132	0.190063	0.978818
XLOC_002778	MTG1	chr10:135207620-135238121	31.9527	36.4535	0.190119	0.766629
XLOC_021966	RNF5P1	chr8:38457692-38458775	0.0418824	0.0477833	0.190161	1
XLOC_017511	PRELID1	chr5:176730762-176739292	165.795	189.156	0.190178	0.813814
XLOC_004276	SNHG1	chr11:62619459-62623360	164.943	188.199	0.19029	0.760301
XLOC_000787	KIRREL	chr1:157963062-158065844	0.780881	0.890994	0.190313	0.891828
XLOC_007521	OIP5	chr15:41601465-41624819	10.1842	11.621	0.190396	0.814274
XLOC_021303	RBM28	chr7:127950435-127983962	20.3759	23.2512	0.190436	0.749032
XLOC_021316	MESTIT1	chr7:130126015-130371406	0.00865226	0.00987542	0.190765	1
XLOC_012146	GEMIN6	chr2:39005326-39009106	28.9544	33.0483	0.190793	0.781302
XLOC_005656	PMCH	chr12:102513955-102591614	0.878614	1.00296	0.190961	0.970185
XLOC_018268	SRSF3	chr6:36562089-36572244	74.6006	85.1602	0.190993	0.744778
XLOC_010921	IGSF23	chr19:45116939-45140081	0.0267306	0.0305147	0.191013	1
XLOC_003148	C10orf82	chr10:118423206-118429481	0.0470929	0.0537641	0.191135	1
XLOC_006427	SIPA1L1	chr14:71996041-72206120	5.22853	5.96955	0.191217	0.765908
XLOC_018189	MICA	chr6:31367560-31383090	25.0951	28.6528	0.19127	0.756508
XLOC_021107	DNAJC30	chr7:73095247-73097781	11.0012	12.5609	0.191283	0.771216
XLOC_009560	C17orf51	chr17:21431570-21454941	2.73832	3.12664	0.191321	0.77202
XLOC_007673	HEXA	chr15:72635777-72671129	50.0161	57.1134	0.191438	0.731905
XLOC_013168	MCM6	chr2:136597195-136634047	16.197	18.4962	0.191499	0.748993
XLOC_009773	ATXN7L3	chr17:42269172-42275529	15.9308	18.1923	0.191502	0.749981
XLOC_001357	SRSF10	chr1:24292936-24306953	25.9378	29.6216	0.191597	0.756246
XLOC_001864	SLC39A1	chr1:153931574-153950451	106.637	121.795	0.191745	0.865128
XLOC_018166	TRIM40	chr6:30104509-30116512	0.0121636	0.0138927	0.19176	1
XLOC_013982	RIMS4	chr20:43374487-43438979	0.00373289	0.00426369	0.191808	1
XLOC_011347	NDUFA11	chr19:5891286-5904024	463.9	529.894	0.191888	0.750965
XLOC_006879	MED6	chr14:71050956-71067384	17.6225	20.1308	0.191983	0.766358
XLOC_012047	RRM2	chr2:10262694-10271546	40.1628	45.8814	0.192049	0.742598
XLOC_004117	SVIP	chr11:22843597-22851382	5.58766	6.38399	0.192215	0.824372
XLOC_010662	FAM32A	chr19:16296234-16302857	41.791	47.7485	0.192262	0.740073
XLOC_013632	AAR2	chr20:34824338-34844863	17.3812	19.8601	0.192342	0.754905
XLOC_008686	ADAT1	chr16:75632246-75657221	0.716916	0.819322	0.192627	0.880754
XLOC_010964	SAE1	chr19:47634079-47713893	63.0474	72.0547	0.192655	0.741504
XLOC_013961	TTI1	chr20:36611422-36661833	5.44579	6.22381	0.192655	0.766358
XLOC_010040	FAM195B	chr17:79780292-79791167	63.2286	72.2628	0.192676	0.748723
XLOC_021533	EXTL3	chr8:28558989-28611207	13.5269	15.46	0.192713	0.781034
XLOC_000882	METTL13	chr1:171750760-171766856	11.637	13.3002	0.192727	0.753745
XLOC_014943	VHL	chr3:10183318-10195354	19.0193	21.7383	0.192778	0.745547
XLOC_012550	ZC3H15	chr2:187350884-187374087	28.1138	32.1352	0.192873	0.739148
XLOC_008189	DUS2L	chr16:68055176-68113226	11.8991	13.6016	0.192919	0.86876
XLOC_013611	CHMP4B	chr20:32399109-32442173	61.7236	70.556	0.192946	0.737328
XLOC_010753	NUDT19	chr19:33182866-33204702	16.5199	18.8858	0.193101	0.746171
XLOC_005105	ALDH2	chr12:112204690-112247789	63.9413	73.1007	0.193138	0.736579
XLOC_000699	OAZ3	chr1:151732122-151743806	3.22873	3.69148	0.193232	0.981441
XLOC_022638	SURF2	chr9:136223420-136228040	76.1808	87.104	0.193311	0.74773
XLOC_017720	MTRNR2L2	chr5:79922044-80172634	50.2243	57.4265	0.19333	0.851768
XLOC_008554	SHCBP1	chr16:46614467-46655311	4.57749	5.23428	0.193435	0.77889
XLOC_009393	CLUH	chr17:2592679-2614927	32.4287	37.0847	0.193555	0.737232

XLOC_011516	HAUS8	chr19:17160570-17186343	10.3486	11.8345	0.193561	0.798022
XLOC_021111	WBSCR27	chr7:73248920-73256855	12.6614	14.4799	0.193613	0.824472
XLOC_019171	LPA	chr6:160952514-161087407	0.00238639	0.00272924	0.193669	1
XLOC_004261	TUT1	chr11:62342516-62359109	10.9455	12.5184	0.193704	0.765944
XLOC_010008	LOC100653515	chr17:76849058-76921472	0.0165182	0.0188929	0.193785	1
XLOC_019007	COQ3	chr6:99817347-99842082	10.0218	11.4632	0.193873	0.784985
XLOC_007835	STUB1	chr16:730114-734439	57.9161	66.2462	0.193873	0.867291
XLOC_007538	UBR1	chr15:43235097-43398286	1.21932	1.39496	0.194142	0.798824
XLOC_011469	TRMT1	chr19:13215713-13227563	55.5801	63.5874	0.194172	0.736305
XLOC_003604	MRPL49	chr11:64888098-64902003	30.7569	35.189	0.194215	0.961952
XLOC_018762	C6orf47	chr6:31626074-31628549	8.06011	9.2218	0.19425	0.775951
XLOC_004783	PPFIBP1	chr12:27677044-27848497	4.17672	4.77878	0.194272	0.757031
XLOC_014488	HSCB	chr22:29138042-29153496	21.0914	24.1328	0.194339	0.766151
XLOC_003310	RBMXL2	chr11:7110164-7112379	0.0429868	0.0491876	0.194403	1
XLOC_006042	RNF6	chr13:26786904-26796508	12.6087	14.4287	0.19452	0.74612
XLOC_002414	BMS1	chr10:43277953-4330385	8.37022	9.57896	0.194602	0.732699
XLOC_019205	PDCD2	chr6:170884659-170893780	37.58	43.0135	0.194822	0.774988
XLOC_012515	ITGA6	chr2:173292313-173371181	1.81572	2.07826	0.19483	0.798113
XLOC_000296	AKIRIN1	chr1:39456915-39471737	18.2515	20.891	0.194863	0.732699
XLOC_000643	ANKRD35	chr1:145549208-145568526	0.00554631	0.00634864	0.194918	1
XLOC_000190	TMEM50A	chr1:25664788-25747363	32.3009	36.9801	0.195172	0.733168
XLOC_021084	ERV3-1_ZNF117	chr7:64434829-64467124	0.706589	0.808959	0.195195	0.877022
XLOC_011298	TIMM13	chr19:2389783-2427875	79.2596	90.7446	0.195225	0.731905
XLOC_018375	OGFRL1	chr6:71998476-72011973	13.2978	15.2253	0.195276	0.766913
XLOC_010235	HMSD	chr18:61616587-61627645	4.20457	4.81455	0.195445	0.880754
XLOC_007182	WDR76	chr15:44119111-44160617	5.05727	5.79122	0.19551	0.758801
XLOC_011167	LILRA2	chr19:55085256-55099027	0.0106719	0.0122208	0.195524	1
XLOC_010206	C18orf54	chr18:51885170-51908404	1.15792	1.326	0.195551	0.824372
XLOC_001967	TSTD1	chr1:161007421-161008774	94.9199	108.7	0.195563	0.756321
XLOC_010977	CRX	chr19:48325098-48346586	0.00806313	0.00923374	0.195576	1
XLOC_020364	C7orf26	chr7:6629914-6648355	19.0383	21.8036	0.195658	0.759979
XLOC_001323	TMCO4	chr1:20008705-20126410	5.38622	6.1687	0.195694	0.791102
XLOC_008514	CD2BP2	chr16:30362086-30366682	33.3948	38.2476	0.195745	0.731166
XLOC_013048	SNRNP200	chr2:96940073-96971307	25.5924	29.3132	0.19583	0.734869
XLOC_021006	RP9	chr7:33134409-33149002	12.9186	14.7985	0.195999	0.776524
XLOC_019025	SEC63	chr6:108188959-108279482	5.54272	6.34943	0.196032	0.743322
XLOC_017076	CCT5	chr5:10250281-10266501	77.9692	89.3271	0.196195	0.734343
XLOC_023370	WDR13	chrX:48455879-48463582	34.5339	39.5651	0.196213	0.737823
XLOC_009284	TSEN54	chr17:73512608-73520820	29.3586	33.6375	0.196285	0.745547
XLOC_006643	MARK3	chr14:103851700-103970166	19.4005	22.2282	0.196294	0.736894
XLOC_009328	ENDOV	chr17:78234659-78411884	8.09888	9.27939	0.196307	0.927701
XLOC_004644	ERC1	chr12:1100403-1605099	2.36114	2.7054	0.196359	0.76146
XLOC_015678	SCAP	chr3:47455183-47517445	25.0204	28.6691	0.196392	0.731108
XLOC_017878	LARS	chr5:145492588-145562294	31.7636	36.3965	0.196426	0.735573
XLOC_005796	ZNF605	chr12:133498018-133532892	1.51751	1.73898	0.196534	0.787792
XLOC_013046	STARD7	chr2:96850602-96908362	35.6562	40.862	0.196606	0.733012
XLOC_015202	ARL13B	chr3:93698982-93774522	0.754163	0.864341	0.196724	0.86364
XLOC_006795	POLE2	chr14:50110269-50155098	4.73242	5.42441	0.196888	0.810443
XLOC_014082	GMEB2	chr20:62218954-62258381	5.81413	6.66431	0.196892	0.774237

XLOC_005487	AAAS	chr12:53701239-53715412	22.3259	25.5914	0.196937	0.741465
XLOC_016514	ELMOD2	chr4:141445311-141474924	2.84103	3.25685	0.19706	0.776663
XLOC_006999	BRF1	chr14:105675622-105864484	15.5616	17.84	0.197133	0.922274
XLOC_016059	RPL22L1	chr3:170582664-170588045	328.761	376.9	0.197142	0.748376
XLOC_017542	CCDC127	chr5:204874-218297	12.1688	13.9514	0.197227	0.781758
XLOC_018544	SAMD5	chr6:147829827-147891157	0.589881	0.676334	0.197313	0.85718
XLOC_011505	OR10H1	chr19:15917816-15918936	0.0336053	0.0385306	0.197316	1
XLOC_020458	MRPL32	chr7:42971938-42977453	62.3035	71.437	0.197359	0.731905
XLOC_013359	AAMP	chr2:219128851-219134893	128.565	147.427	0.1975	0.732286
XLOC_012960	ASPRV1	chr2:70187223-70314147	0.658441	0.755057	0.197532	0.898747
XLOC_019148	MTRF1L	chr6:153308399-153323925	7.62712	8.7465	0.197567	0.737556
XLOC_005433	TUBA1B	chr12:49521566-49525304	642.709	737.039	0.197575	0.75446
XLOC_010061	C17orf62	chr17:80347085-80408707	34.0198	39.0129	0.197575	0.81114
XLOC_006988	C14orf2	chr14:104378624-104387903	359.119	411.839	0.197618	0.722516
XLOC_000093	TNFRSF1B	chr1:12227059-12269277	0.00545928	0.00626119	0.197725	1
XLOC_023172	AGPAT2	chr9:139567594-139581911	263.204	301.87	0.197746	0.723182
XLOC_020422	PLEKHA8	chr7:30067976-30157961	2.37003	2.71821	0.197751	0.849035
XLOC_006429	DCAF4	chr14:73393039-73426357	8.94849	10.2635	0.197802	0.767258
XLOC_006887	FAM161B	chr14:74399694-74429813	0.333304	0.382315	0.197924	0.967343
XLOC_002312	ZMYND11	chr10:180404-300577	6.00355	6.88707	0.198076	0.754905
XLOC_010833	PSMD8	chr19:38865189-38874464	306.166	351.232	0.198113	0.732319
XLOC_021337	CREB3L2	chr7:137559724-137686847	2.89163	3.31741	0.198172	0.831834
XLOC_014184	MX1	chr21:42792519-42831141	7.8972	9.06046	0.198243	0.765218
XLOC_002689	DUSP5	chr10:112257624-112271302	107.583	123.431	0.198248	0.757708
XLOC_000861	TIPRL	chr1:168148170-168171351	10.2068	11.7103	0.198251	0.775896
XLOC_002648	C10orf2	chr10:102747292-102754158	20.3186	23.312	0.198269	0.739517
XLOC_016169	MAEA	chr4:1283671-1333925	27.0991	31.0914	0.198271	0.735435
XLOC_010372	MBD2	chr18:51677970-51751158	11.0228	12.647	0.198295	0.730157
XLOC_001559	YIPF1	chr1:54317391-54355487	10.7459	12.3309	0.198486	0.76946
XLOC_014931	MTMR14	chr3:9691116-9744078	21.6413	24.8349	0.19858	0.73942
XLOC_021500	POLR3D	chr8:22102618-22108680	27.6823	31.7675	0.198584	0.739148
XLOC_010141	SNRPD1	chr18:19192259-19210208	69.5788	79.8517	0.198674	0.730925
XLOC_022979	TEX10	chr9:103064356-103115259	33.697	38.6735	0.198725	0.730925
XLOC_017415	GRPEL2	chr5:148724976-148734146	9.16755	10.5215	0.198738	0.735435
XLOC_009599	TEFM	chr17:29226000-29233286	8.08302	9.27832	0.198969	0.798514
XLOC_005250	MLF2	chr12:6857157-6862636	192.973	221.513	0.198992	0.729714
XLOC_004353	PPP1CA	chr11:67159422-67169376	186.698	214.334	0.199154	0.736823
XLOC_004312	ATG2A	chr11:64662003-64684722	11.8172	13.5673	0.199245	0.725739
XLOC_020705	TES	chr7:115850546-115898837	0.0225371	0.0258775	0.199399	1
XLOC_006433	C14orf169	chr14:73945188-74025651	11.6874	13.4199	0.199426	0.783531
XLOC_003080	LOXL4	chr10:100007442-100028007	0.00499509	0.00573562	0.19944	1
XLOC_004370	C11orf24	chr11:68028802-68039469	18.3924	21.1209	0.199562	0.739148
XLOC_005363	TM7SF3	chr12:27124505-27167339	8.61768	9.8962	0.199575	0.736178
XLOC_023997	RAB9B	chrX:103077254-103087212	0.14421	0.165607	0.199586	1
XLOC_002577	STAMBPL1	chr10:90639943-90683259	4.96032	5.6966	0.199668	0.798794
XLOC_010489	MRPL54	chr19:3762664-3767563	73.3914	84.288	0.199716	0.746288
XLOC_006645	APOPT1	chr14:104029298-104057236	22.5753	25.9273	0.199723	0.74725
XLOC_018739	GNL1	chr6:30509154-30532473	13.0323	14.9677	0.199767	0.751211
XLOC_000971	TIMM17A	chr1:201924618-201939789	37.3545	42.9044	0.199843	0.72151

XLOC_018650	GFOD1	chr6:13363586-13487869	1.02529	1.17764	0.199862	0.883608
XLOC_014014	ZMYND8	chr20:45838380-45985474	2.40914	2.76727	0.199942	0.798793
XLOC_011667	EID2	chr19:40029446-40030838	27.9177	32.0687	0.199985	0.748673
XLOC_004373	MRPL21	chr11:68658745-68671303	106.797	122.677	0.199986	0.725398
XLOC_005137	COX6A1	chr12:120875892-120878545	622.518	715.113	0.200055	0.727839
XLOC_023123	MED27	chr9:134735496-134955274	50.4507	57.9621	0.200235	0.726353
XLOC_007280	LRRC49	chr15:71184927-71342436	1.32869	1.52654	0.200265	0.848628
XLOC_023062	ZBTB26	chr9:125680377-125693779	0.752355	0.864477	0.200414	0.892032
XLOC_003551	FADS2	chr11:61595712-61634825	6.17179	7.09158	0.200416	0.779242
XLOC_012042	CPSF3	chr2:9563665-9613239	22.7124	26.0973	0.200421	0.726595
XLOC_006200	GGACT	chr13:100741268-101241046	1.3858	1.59283	0.200875	0.907121
XLOC_021487	SH2D4A	chr8:19171080-19253729	3.81895	4.38949	0.20088	0.773721
XLOC_020884	LOC645249	chr7:156803550-156809118	15.714	18.0617	0.200881	0.800413
XLOC_009502	SCO1	chr17:10583648-10600885	18.822	21.6344	0.200904	0.743375
XLOC_001801	ENSA	chr1:150594598-150602098	134.948	155.126	0.201039	0.733299
XLOC_001017	CD55	chr1:207494816-207534311	18.1242	20.8347	0.201071	0.733694
XLOC_004955	TSFM	chr12:58176527-58209852	24.6805	28.3716	0.201073	0.726353
XLOC_000428	ATG4C	chr1:63249776-63330941	2.1801	2.50614	0.201078	0.810769
XLOC_015786	ARF4	chr3:57557089-57583215	68.6926	78.9666	0.201089	0.720426
XLOC_010780	LSR	chr19:35739558-35758867	45.2075	51.9709	0.201143	0.72856
XLOC_012732	SCLY,UBE2F	chr2:238875586-239008054	31.7761	36.5329	0.201255	0.727839
XLOC_002672	AS3MT,C10orf32	chr10:104613966-104661655	5.23717	6.02118	0.201259	0.784528
XLOC_015790	ACOX2	chr3:58490862-58522929	1.12449	1.29283	0.201265	0.879055
XLOC_013419	PDE6D	chr2:232597146-232645974	10.1949	11.7215	0.201313	0.801972
XLOC_018776	SLC44A4	chr6:31830969-31846823	0.0485739	0.0558476	0.201314	1
XLOC_012935	TMEM17	chr2:62727355-62733604	0.576744	0.663166	0.201439	0.906423
XLOC_010861	PSMC4	chr19:40476911-40487671	49.9715	57.4636	0.201543	0.713886
XLOC_003566	POLR2G	chr11:62529010-62534187	108.614	124.909	0.201668	0.713126
XLOC_017424	TCOF1	chr5:149737201-149779871	25.5849	29.4249	0.201745	0.725398
XLOC_014710	RTDR1	chr22:23401592-23484241	0.0405763	0.0466671	0.20177	1
XLOC_011280	MBD3	chr19:1576677-1592652	61.2228	70.4215	0.201948	0.723659
XLOC_008587	FAM192A	chr16:57186377-57219976	16.2775	18.7241	0.202019	0.727043
XLOC_009968	SLC25A19	chr17:73267379-73285530	23.3937	26.9152	0.202299	0.743913
XLOC_005957	GPR180	chr13:95254103-95286899	1.72713	1.98719	0.202356	0.765267
XLOC_011157	NDUFA3	chr19:54606159-54610281	184.628	212.451	0.202513	0.739188
XLOC_003619	FAM89B	chr11:65339819-65341669	31.7882	36.5789	0.20252	0.761269
XLOC_001245	DNAJC11	chr1:6684924-6761966	18.8019	21.6355	0.202522	0.779038
XLOC_012729	LRRFIP1	chr2:238536223-238690290	10.6045	12.2036	0.202623	0.731166
XLOC_014047	PMEPA1	chr20:56223447-56286592	0.879908	1.01269	0.202767	0.858227
XLOC_009039	PSMD3	chr17:38137020-38154213	81.829	94.1809	0.202823	0.719427
XLOC_010791	HAUS5	chr19:36103645-36116251	5.57339	6.41487	0.202866	0.756508
XLOC_007246	FBXL22	chr15:63796709-63894620	0.117218	0.134918	0.202891	1
XLOC_004389	LAMTOR1	chr11:71709957-71823822	93.8541	108.031	0.202959	0.862733
XLOC_017311	SLC22A5	chr5:131630144-131731306	2.60425	2.9979	0.203081	0.82034
XLOC_001297	ARHGEF19	chr1:16524598-16539104	11.9118	13.7137	0.203223	0.749981
XLOC_008024	NFATC2IP	chr16:28962317-28977767	8.77815	10.1062	0.203246	0.733012
XLOC_004427	KCTD14,NDUFC2	chr11:77726760-77850699	20.8118	23.9609	0.203283	0.847523
XLOC_009478	AURKB	chr17:8108048-8113944	83.3724	95.9894	0.203305	0.721367
XLOC_001546	KTI12,TXNDC12	chr1:52485803-52521843	61.3492	70.6364	0.203367	0.73942

XLOC_001450	OSCP1	chr1:36883506-36916086	2.44549	2.81587	0.203456	0.890039
XLOC_023976	TRMT2B	chrX:100264333-100307105	2.79357	3.21668	0.203462	0.797588
XLOC_014596	LINC00634	chr22:42348190-42354946	0.222151	0.255809	0.203529	1
XLOC_000914	LHX4	chr1:180199432-180244188	0.736	0.847537	0.20357	0.954981
XLOC_011514	SMIM7	chr19:16756958-16770968	24.7549	28.5084	0.203677	0.736417
XLOC_000845	HSD17B7	chr1:162760495-162782608	6.3622	7.32739	0.203774	0.790277
XLOC_014469	SNRPD3	chr22:24951617-24968509	75.06	86.4476	0.203782	0.719979
XLOC_007484	AVEN	chr15:34158427-34357287	6.41048	7.38419	0.204007	0.798205
XLOC_008101	CYLD	chr16:50775960-50835846	2.07436	2.3896	0.204106	0.74612
XLOC_005200	NOC4L	chr12:132628992-132636986	32.6932	37.6636	0.20418	0.73942
XLOC_015634	ACVR2B-AS1	chr3:38492517-38534633	0.536312	0.617888	0.204273	0.964843
XLOC_021341	ZC3HAV1L	chr7:138710451-138720775	1.84507	2.12575	0.204293	0.865317
XLOC_006918	CEP128	chr14:80962820-81405884	0.352288	0.405886	0.204319	0.876818
XLOC_015822	FAM86DP	chr3:75470702-75484266	5.88307	6.77901	0.204507	0.773721
XLOC_009587	SEZ6	chr17:27281946-27333081	0.00663969	0.00765138	0.204603	1
XLOC_004985	CCT2	chr12:69979207-69995357	192.865	222.255	0.204628	0.718986
XLOC_018813	DAXX	chr6:33286334-33290793	30.7559	35.4432	0.204644	0.714867
XLOC_007594	CCPG1,DYX1C1	chr15:55611132-55800432	3.70542	4.27067	0.204826	0.854032
XLOC_001644	GBP4	chr1:89646830-89664633	0.0138428	0.0159555	0.204917	1
XLOC_018385	IRAK1BP1	chr6:79577188-79608320	1.2901	1.48711	0.205034	0.900249
XLOC_010994	GRWD1	chr19:48949029-48957164	32.6873	37.6801	0.205073	0.7154
XLOC_010332	INO80C	chr18:33048290-33077955	11.0878	12.7816	0.205096	0.804859
XLOC_003138	GPAM	chr10:113909621-113943537	1.19461	1.37725	0.205245	0.801574
XLOC_012315	CNNM4	chr2:97426638-97477628	3.17701	3.66296	0.205339	0.773721
XLOC_021026	C7orf25	chr7:42948871-42951689	5.75141	6.63122	0.205359	0.780692
XLOC_018649	TBC1D7	chr6:13305183-13328787	6.14606	7.08702	0.205516	0.820487
XLOC_001770	GPR89A	chr1:145764594-145827103	3.74253	4.31647	0.20584	0.794976
XLOC_021214	TSC22D4	chr7:100064141-100076902	41.6915	48.0856	0.20585	0.720363
XLOC_010593	CCDC159	chr19:11457180-11465620	2.79191	3.2203	0.205942	0.87419
XLOC_010496	CCDC94	chr19:4247110-4269085	17.8093	20.5423	0.205965	0.755918
XLOC_017871	FGF1	chr5:141971742-142077635	0.0250303	0.0288728	0.206035	1
XLOC_015554	SSUH2	chr3:8661085-8693764	0.0828823	0.095608	0.206066	1
XLOC_003608	POLA2	chr11:65029431-65065088	9.17869	10.5884	0.206123	0.743375
XLOC_003738	ANKRD42	chr11:82905290-82960013	0.385463	0.444722	0.206313	0.902834
XLOC_000214	NUDC	chr1:27248212-27273362	410.727	473.893	0.206383	0.726595
XLOC_007185	EIF3J	chr15:44829265-44955876	16.043	18.511	0.206438	0.824372
XLOC_013036	LOC654342	chr2:91824708-91847975	10.6945	12.3402	0.206504	0.828851
XLOC_016567	KLHL2	chr4:166128769-166244308	2.24897	2.59531	0.20664	0.804051
XLOC_008823	EIF4A1,SENP3	chr17:7465308-7482324	877.861	1013.1	0.206705	0.754905
XLOC_000815	NHLH1	chr1:160336860-160342638	0.0296385	0.0342046	0.206715	1
XLOC_001486	CITED4	chr1:41326727-41328018	90.605	104.573	0.206851	0.732699
XLOC_013430	HJURP	chr2:234745485-234763212	15.0256	17.3422	0.206861	0.720363
XLOC_000278	NCDN	chr1:36023392-36032380	10.3949	11.9978	0.206894	0.733168
XLOC_013581	PSIMCT-1	chr20:30102240-30161066	1.25241	1.4456	0.206957	0.984547
XLOC_007598	NEDD4	chr15:56119121-56285835	1.59167	1.83722	0.206986	0.776524
XLOC_002774	VENTX	chr10:135051407-135055433	0.00940025	0.0108505	0.20699	1
XLOC_000456	ZRANB2-AS1	chr1:71318035-71546972	0.0143051	0.0165133	0.207099	1
XLOC_009833	PHB	chr17:47481419-47492242	165.735	191.32	0.207106	0.70878
XLOC_009210	C17orf64	chr17:58499864-58508787	0.0299039	0.0345214	0.207157	1

XLOC_013463	PASK	chr2:242045513-242089394	2.0233	2.33586	0.207244	0.799656
XLOC_017656	MCIN	chr5:54515424-54523143	1.7137	1.97851	0.207301	0.874955
XLOC_004338	YIF1A	chr11:66052050-66056638	66.3632	76.6184	0.207308	0.722516
XLOC_013554	C20orf26	chr20:20015011-20341346	0.0215771	0.0249121	0.207344	1
XLOC_007937	NUBP1	chr16:10837697-10912621	14.5945	16.852	0.207496	0.754905
XLOC_002375	MLLT10	chr10:21823100-22032559	8.37279	9.66839	0.207567	0.876609
XLOC_008464	SLC7A5P2	chr16:21529229-21531765	0.348429	0.402364	0.207636	0.925922
XLOC_009314	SYNGR2	chr17:76164670-76169009	91.7368	105.939	0.207658	0.700954
XLOC_018575	TULP4	chr6:158733691-158932856	1.4659	1.69287	0.207684	0.765267
XLOC_018299	GLTSCR1L	chr6:42788793-42836296	0.637526	0.736331	0.20787	0.838902
XLOC_017995	C5orf60	chr5:179068557-179072047	0.0178764	0.0206477	0.207929	1
XLOC_002559	BMPR1A	chr10:88516395-88684945	2.76167	3.19027	0.208138	0.776316
XLOC_008266	KIAA0513	chr16:85061409-85127828	0.660341	0.762838	0.208164	0.838532
XLOC_014252	ATP5J	chr21:27096790-27144771	151.61	175.147	0.208199	0.758847
XLOC_004825	TUBA1C	chr12:49658864-49667113	450.586	520.588	0.208341	0.725721
XLOC_011843	IRF3	chr19:50162825-50177173	57.0995	65.9751	0.208443	0.81727
XLOC_022839	SLC25A51	chr9:37877571-37904350	2.95516	3.41455	0.208455	0.852718
XLOC_008347	MSRB1	chr16:1988233-1993294	23.5014	27.1556	0.208501	0.736635
XLOC_018577	SYTL3	chr6:159071045-159185908	0.652271	0.753716	0.208549	0.891976
XLOC_015367	MRPS22	chr3:139062860-139075887	39.5978	45.7566	0.20856	0.712027
XLOC_012843	ZNF513	chr2:27593362-27603611	9.39657	10.8588	0.208655	0.945887
XLOC_007729	MESDC2	chr15:81268094-81282205	7.09966	8.20447	0.208659	0.716797
XLOC_003153	PDZD8	chr10:119042605-119134937	1.73293	2.00259	0.208659	0.81727
XLOC_004946	PIP4K2C	chr12:57984941-57997211	10.2486	11.8438	0.20871	0.7251
XLOC_014591	C22orf46	chr22:42086546-42094140	1.64222	1.89786	0.208721	0.786222
XLOC_014808	RAC2	chr22:37621309-37640305	9.1648	10.5915	0.208735	0.791418
XLOC_016265	ANAPC4	chr4:25378847-25420120	5.37452	6.21125	0.20875	0.756508
XLOC_016091	MAGEF1	chr3:184428154-184429836	33.799	39.0634	0.208836	0.719384
XLOC_000409	ACOT11	chr1:55013806-55100417	0.239725	0.277065	0.208846	1
XLOC_017463	MAT2B	chr5:162930069-162946359	18.6196	21.5211	0.208932	0.710272
XLOC_021343	LOC100129148	chr7:139025104-139112272	1.85327	2.14206	0.208932	0.984445
XLOC_003617	SCYL1	chr11:65292547-65325699	39.1312	45.2309	0.208989	0.753604
XLOC_009861	MRPS23	chr17:55916286-55927433	37.3654	43.19	0.208992	0.704317
XLOC_001400	TMEM200B	chr1:29213602-29450421	5.76571	6.66515	0.209139	0.885767
XLOC_021734	FAM83A	chr8:124194751-124222318	0.0352613	0.0407623	0.209147	1
XLOC_010050	NOTUM	chr17:79910382-79919057	4.70923	5.44405	0.20919	0.828851
XLOC_003591	ESRRA	chr11:64073043-64085033	58.3615	67.4838	0.209524	0.872122
XLOC_004927	NABP2	chr12:56618124-56623638	51.5505	59.6089	0.209541	0.704317
XLOC_001290	AGMAT	chr1:15853351-15911605	7.70593	8.91068	0.209566	0.818092
XLOC_020766	BPGM	chr7:134331530-134364567	3.65096	4.22198	0.209643	0.806275
XLOC_001511	HECTD3	chr1:45468219-45477027	9.85772	11.3996	0.209654	0.720363
XLOC_024111	RBMX	chrX:135951352-135962939	147.85	170.976	0.209663	0.711195
XLOC_001332	DDOST	chr1:20978259-20988037	159.032	183.91	0.209679	0.709934
XLOC_010751	PDCD5	chr19:33072093-33078358	178.22	206.103	0.209708	0.699003
XLOC_014607	TSPO	chr22:43547519-43559248	417.094	482.387	0.209818	0.699755
XLOC_012669	STK11IP	chr2:220462595-220481173	2.24685	2.59859	0.209822	0.813283
XLOC_004870	C12orf10	chr12:53693469-53700965	43.2679	50.0436	0.209888	0.720235
XLOC_022417	DAPK1	chr9:90112755-90323549	2.53914	2.93716	0.210082	0.76395
XLOC_015650	HIGD1A	chr3:42824399-42846027	14.7587	17.0738	0.21022	0.70639

XLOC_011611	NFKBID	chr19:36379142-36391552	2.25202	2.6053	0.210228	0.8626
XLOC_010612	ASNA1	chr19:12848305-12859137	93.8045	108.521	0.210248	0.700356
XLOC_008697	SLC38A8	chr16:84043388-84075762	0.0494566	0.0572161	0.210257	1
XLOC_013491	NOP56	chr20:2633177-2639039	72.5514	83.9481	0.210494	0.692701
XLOC_022838	EXOSC3	chr9:37779710-37785089	18.0236	20.8549	0.2105	0.722876
XLOC_010841	MRPS12	chr19:39405903-39423659	118.981	137.687	0.210666	0.761496
XLOC_020629	CPSF4	chr7:99006600-99063824	61.4794	71.1511	0.210783	0.914837
XLOC_011747	ZNF296	chr19:45574757-45579688	21.6557	25.0639	0.210865	0.755421
XLOC_005765	VPS37B	chr12:123349874-123380712	45.5695	52.7465	0.211007	0.699464
XLOC_022533	DAB2IP	chr9:124329398-124547809	5.98422	6.92678	0.211022	0.727839
XLOC_016705	RELL1	chr4:37455551-37687999	5.56151	6.43763	0.211054	0.735654
XLOC_002023	PIGC	chr1:172389827-172437969	10.8741	12.5874	0.211086	0.744765
XLOC_022157	DERL1	chr8:124025403-124054663	28.5851	33.0901	0.211137	0.699003
XLOC_015120	MAPKAPK3	chr3:50649292-50686728	69.2958	80.23	0.211375	0.701115
XLOC_008429	PARN	chr16:14529556-14724128	9.44039	10.9313	0.211549	0.720363
XLOC_000309	ZFP69	chr1:40943301-40962015	1.65413	1.91563	0.211753	0.835594
XLOC_009229	PSMC5	chr17:61896792-61909387	85.9654	99.5562	0.211756	0.779834
XLOC_000184	NIPAL3	chr1:24742244-24799473	6.41117	7.42528	0.211857	0.711465
XLOC_020397	RPS2P32	chr7:23530006-23531031	0.038928	0.0450878	0.211931	1
XLOC_009185	DGKE	chr17:54911459-54946036	1.93775	2.24454	0.212036	0.76165
XLOC_002225	MRPL55	chr1:228294379-228297013	67.9595	78.7471	0.212553	0.727839
XLOC_010863	MAP3K10	chr19:40697650-40721482	8.7	10.0811	0.21257	0.752397
XLOC_000232	RCC1	chr1:28832454-28865708	106.633	123.578	0.212758	0.715378
XLOC_015002	CNOT10	chr3:32726636-32815367	13.2895	15.4019	0.212824	0.705198
XLOC_012366	SH3RF3	chr2:109743783-110262207	0.880077	1.02	0.212864	0.845191
XLOC_008720	CYBA	chr16:88709696-88717492	365.899	424.089	0.212923	0.690491
XLOC_010852	TIMM50	chr19:39971051-39981528	53.0352	61.4701	0.212934	0.685355
XLOC_014196	LINC00319	chr21:44869903-44873771	0.0120115	0.013922	0.21295	1
XLOC_021655	CA13	chr8:86157715-86196302	4.47107	5.18291	0.213143	0.744778
XLOC_001065	BROX	chr1:222885905-222906106	1.04358	1.20976	0.213172	0.87763
XLOC_021399	TMUB1	chr7:150778171-150780620	132.895	154.084	0.213427	0.692798
XLOC_001419	PTP4A2	chr1:32372021-32403988	44.2137	51.2692	0.213599	0.699755
XLOC_022238	TMEM249	chr8:145576885-145578574	1.39377	1.61619	0.213603	0.916694
XLOC_014693	KLHL22	chr22:20795805-20850170	7.49686	8.69322	0.213604	0.756508
XLOC_023844	TIMM17B	chrX:48750729-48760422	105.616	122.472	0.21363	0.824392
XLOC_014593	CCDC134	chr22:42196677-42222303	4.05031	4.6968	0.213646	0.839471
XLOC_020893	ADAP1	chr7:937536-994289	18.6007	21.5703	0.213689	0.726353
XLOC_021048	NACAD	chr7:45120035-45128493	0.00439744	0.00509958	0.213714	1
XLOC_000385	FOXO2	chr1:47901688-47906363	1.59308	1.84745	0.213717	0.840956
XLOC_010440	WDR18	chr19:984327-994569	84.4998	97.9923	0.213721	0.698989
XLOC_006963	SNHG10	chr14:95999248-96001209	5.7386	6.65497	0.213734	0.824372
XLOC_013827	FASTKD5,UBOX5	chr20:3087556-3140556	10.941	12.6889	0.213816	0.700208
XLOC_014554	POLR2F	chr22:38339056-38365319	34.9316	40.5146	0.213908	0.729463
XLOC_017677	CENPK	chr5:64813592-64858995	2.55473	2.96305	0.213911	0.828968
XLOC_007946	ERCC4	chr16:14014013-14046205	0.61197	0.709807	0.213967	0.828851
XLOC_001432	TRIM62	chr1:33611002-33647671	2.92955	3.39794	0.213984	0.795912
XLOC_005240	MRPL51	chr12:6601315-6602471	201.445	233.681	0.214156	0.692701
XLOC_000217	TMEM222	chr1:27648635-27662891	33.9151	39.3428	0.214172	0.707665
XLOC_008492	TUFM	chr16:28853731-28857729	317.852	368.741	0.214253	0.70174

XLOC_015098	P4HTM	chr3:49027340-49044581	16.2133	18.8094	0.214273	0.730925
XLOC_023748	HDHD1	chrX:6966960-7066231	13.2358	15.3552	0.214276	0.715444
XLOC_010541	TRAPPC5	chr19:7745706-7747748	205.204	238.087	0.214428	0.703707
XLOC_011359	CD70	chr19:6585849-6591163	0.0329052	0.0381781	0.214431	1
XLOC_001490	HIVEP3	chr1:41972035-42501596	0.218803	0.253883	0.214528	1
XLOC_017566	MED10	chr5:6372038-6378639	50.3699	58.4478	0.214586	0.695914
XLOC_005436	MCRS1	chr12:49952085-49961911	30.2594	35.1127	0.214609	0.698498
XLOC_023107	DOLK	chr9:131707808-131769375	18.2652	21.1956	0.214669	0.931682
XLOC_018086	LRRC16A	chr6:25279655-25620758	1.48005	1.71751	0.214671	0.780958
XLOC_017102	BRIX1	chr5:34915819-34925787	32.7445	38.0011	0.214785	0.700524
XLOC_003001	AGAP5	chr10:75434032-75457554	0.682863	0.792491	0.214799	0.880021
XLOC_024182	NAA10	chrX:153195279-153200607	135.307	157.034	0.21484	0.699342
XLOC_011808	LMTK3	chr19:48988527-49016446	0.530333	0.615549	0.214976	0.890806
XLOC_005906	WDFY2	chr13:52158483-52336171	3.82831	4.4437	0.215051	0.752311
XLOC_002422	ZNF32-AS1	chr10:44124264-44170147	18.4276	21.3901	0.215076	0.935437
XLOC_015053	SNRK	chr3:43328003-43393454	0.466741	0.541784	0.215096	0.87763
XLOC_021976	PLAT	chr8:42032235-42065194	0.785413	0.911735	0.215162	0.87179
XLOC_000340	IPO13	chr1:44412477-44433694	5.61135	6.51416	0.21523	0.733529
XLOC_022664	EGFL7	chr9:139553307-139567130	192.907	223.95	0.215273	0.687264
XLOC_011555	ATP13A1	chr19:19756009-19774503	22.7176	26.3767	0.215453	0.692155
XLOC_021041	DDX56	chr7:44605015-44614137	37.6258	43.6879	0.215511	0.695374
XLOC_017955	NKX2-5	chr5:172659106-172662315	22.856	26.54	0.2156	0.748812
XLOC_020769	TMEM140	chr7:134832765-134855578	0.601809	0.698813	0.215601	0.973099
XLOC_013795	LINC00176	chr20:62665696-62671315	0.392176	0.455407	0.215656	0.881798
XLOC_007906	ZNF213	chr16:3185056-3192805	8.24025	9.56945	0.215747	0.740791
XLOC_022677	C8G	chr9:139839697-139841426	0.331009	0.384411	0.215777	0.960683
XLOC_011678	C19orf47	chr19:40826966-40884390	7.83848	9.10361	0.215865	0.930948
XLOC_001774	PRKAB2	chr1:146626684-146644129	2.90411	3.37294	0.215907	0.740552
XLOC_016960	SH3D19	chr4:152041432-152149182	3.57085	4.14757	0.216	0.736305
XLOC_002271	FH	chr1:241660856-241683085	49.3909	57.3715	0.216088	0.688049
XLOC_023158	NACC2	chr9:138898382-138987131	7.95634	9.24199	0.216098	0.703945
XLOC_011266	PRSS57	chr19:685545-695461	0.119065	0.138307	0.216125	1
XLOC_004986	RAB3IP	chr12:70132630-70216984	3.15519	3.66515	0.216145	0.700356
XLOC_018907	TNFRSF21	chr6:47199267-47277680	3.37287	3.91831	0.216256	0.759934
XLOC_000955	C1orf53	chr1:197871681-197876497	1.92564	2.23712	0.216306	0.914505
XLOC_001353	GALE	chr1:24122088-24127294	86.4815	100.471	0.216319	0.686965
XLOC_022971	TRIM14	chr9:100818958-100881488	10.4374	12.1259	0.216328	0.883608
XLOC_003785	KIAA1377	chr11:101761404-101871793	0.0860953	0.100027	0.216386	1
XLOC_002846	DNAJC1	chr10:22045476-22292650	6.62771	7.70123	0.21658	0.756807
XLOC_003435	ATG13	chr11:46638825-46697568	10.719	12.4553	0.216591	0.691509
XLOC_007978	LYRM1	chr16:20869395-20936328	13.3939	15.5637	0.216611	0.765759
XLOC_004683	GNB3	chr12:6949374-6956557	1.86962	2.17254	0.216638	0.85718
XLOC_018435	LACE1	chr6:108616097-108844251	0.955983	1.11088	0.216643	0.863994
XLOC_023323	PRRG1	chrX:37208527-37316548	1.9343	2.24772	0.216652	0.828968
XLOC_002176	BATF3	chr1:212859758-212873327	24.2194	28.1445	0.21669	0.745547
XLOC_002820	SEPHS1	chr10:13359437-13390298	21.4612	24.9397	0.216717	0.684432
XLOC_014493	EWSR1	chr22:29663997-29696515	106.516	123.784	0.216747	0.689772
XLOC_010225	TNFRSF11A	chr18:59992519-60054943	0.80412	0.934517	0.21681	0.841788
XLOC_008423	TXNDC11	chr16:11762288-11836648	8.00209	9.29975	0.216815	0.822744

XLOC_011362	GPR108	chr19:6729924-6737633	36.1813	42.0502	0.216869	0.688983
XLOC_013803	TBC1D20	chr20:416123-443187	10.7017	12.4377	0.216873	0.696463
XLOC_003726	ACER3	chr11:76571916-76734850	1.12581	1.30849	0.216941	0.808127
XLOC_011218	ZNF460	chr19:57791852-57805436	0.362287	0.421121	0.217102	0.881798
XLOC_001614	PIGK	chr1:77554666-77685132	2.99338	3.47953	0.217119	0.738519
XLOC_004991	TMEM19	chr12:72079877-72097839	2.49922	2.90534	0.217226	0.756518
XLOC_013571	GINS1	chr20:25388322-25429191	6.82171	7.93022	0.217228	0.708849
XLOC_023018	FAM225B	chr9:115867002-115873957	0.367719	0.427497	0.217311	0.865084
XLOC_005257	C1RL	chr12:7247145-7274447	4.76681	5.54179	0.217328	0.759742
XLOC_010303	ABHD3	chr18:19230857-19284766	4.19649	4.87879	0.21734	0.773721
XLOC_012782	ADAM17	chr2:9629410-9695917	3.27194	3.80403	0.217382	0.747378
XLOC_023781	SH3KBP1	chrX:19552082-19905744	5.6897	6.61564	0.21753	0.71651
XLOC_013504	ITPA	chr20:3189513-3204516	72.9224	84.7912	0.217552	0.702001
XLOC_004074	EIF4G2	chr11:10818592-10830582	97.8339	113.762	0.217612	0.704135
XLOC_012788	NOL10	chr2:10710891-10830113	6.36293	7.39904	0.217647	0.713886
XLOC_008487	CLN3	chr16:28488599-28503623	23.0361	26.7879	0.217681	0.708142
XLOC_021569	AGPAT6	chr8:41435706-41482520	14.8137	17.2263	0.217686	0.686247
XLOC_012007	ZNF497	chr19:58858171-58874214	1.79993	2.0932	0.21777	0.845932
XLOC_002864	MPP7	chr10:28339922-28571067	0.135293	0.157353	0.217916	1
XLOC_002491	KIAA1279	chr10:70748476-70776739	5.95312	6.92379	0.217917	0.739148
XLOC_013512	SFOX	chr20:4129425-4168394	18.0001	20.9355	0.21795	0.710992
XLOC_001239	ACOT7	chr1:6324331-6453826	104.025	120.999	0.218067	0.680951
XLOC_008650	EXOSC6	chr16:70284133-70285833	27.317	31.775	0.218097	0.72151
XLOC_018779	NELFE	chr6:31919863-31937532	74.9311	87.164	0.218167	0.739148
XLOC_016649	STX18	chr4:4387982-4543775	15.0164	17.4681	0.218183	0.703707
XLOC_001694	PSMA5	chr1:109941652-109969108	29.4888	34.307	0.218335	0.683545
XLOC_012030	LOC100506054	chr2:3605975-3609340	6.67759	7.76918	0.218435	0.809647
XLOC_014863	RRP7A	chr22:42896584-42915829	25.1916	29.3104	0.218469	0.687824
XLOC_000744	CKS1B	chr1:154947117-154951725	152.141	177.016	0.218471	0.680951
XLOC_001142	KIF26B	chr1:245318286-245866428	0.246758	0.287108	0.2185	1
XLOC_008244	CENPN	chr16:81009698-81066709	16.8313	19.584	0.218528	0.855739
XLOC_017752	FLJ35946	chr5:98104998-98132198	0.251714	0.292889	0.218569	1
XLOC_007718	WDR61	chr15:78575577-78591940	25.3624	29.5134	0.21868	0.702993
XLOC_009259	C17orf80	chr17:71228775-71258019	2.78934	3.24614	0.218805	0.763906
XLOC_011501	WIZ	chr19:15532317-15560762	15.7022	18.2738	0.218814	0.681002
XLOC_024194	SLC10A3	chrX:153715649-153719002	29.2692	34.0655	0.218931	0.694378
XLOC_010715	NDUFA13	chr19:19627018-19639013	556.228	647.49	0.219181	0.677719
XLOC_003644	DPP3	chr11:66247483-66277130	15.0868	17.5622	0.21919	0.703975
XLOC_000492	HS2ST1	chr1:87380334-87575681	3.78961	4.41142	0.219193	0.764456
XLOC_009405	P2RX5,TAX1BP3	chr17:3539761-3599698	91.2549	106.232	0.219238	0.804694
XLOC_016464	GAR1	chr4:110736665-110745893	46.5491	54.1954	0.219416	0.687824
XLOC_003577	NAA40	chr11:63706441-63724446	4.59211	5.34666	0.21948	0.742954
XLOC_021109	ABHD11	chr7:73150424-73153190	17.2778	20.1187	0.219617	0.733086
XLOC_009069	ATP6V0A1	chr17:40610861-40674597	9.92664	11.5601	0.219772	0.696463
XLOC_009172	LUC7L3	chr17:48796925-48830072	18.5082	21.5547	0.219832	0.724344
XLOC_016424	HERC6	chr4:89299890-89364249	2.68724	3.13011	0.220089	0.754724
XLOC_013707	DDX27	chr20:47835831-47860614	11.8097	13.7565	0.220144	0.699559
XLOC_014611	SAMM50	chr22:44351260-44392412	21.9948	25.6233	0.220292	0.697809
XLOC_022458	ERCC6L2	chr9:98568369-98731122	0.383027	0.446218	0.2203	0.923897

XLOC_004977	NUP107	chr12:69080730-69136473	14.8163	17.2612	0.22034	0.690491
XLOC_011321	ZBTB7A	chr19:4045215-4066816	8.15139	9.49658	0.220361	0.713126
XLOC_021696	SPAG1	chr8:101170262-101254132	3.82915	4.46122	0.220416	0.731905
XLOC_008493	LOC100289092	chr16:28889808-28936532	6.94475	8.09133	0.220455	0.968157
XLOC_007391	FANCI	chr15:89787193-89878026	6.09897	7.10603	0.220477	0.844936
XLOC_022168	MTSS1	chr8:125563027-125740730	1.8049	2.10294	0.220492	0.776524
XLOC_017145	NDUFAF2	chr5:60240955-60448864	97.9597	114.145	0.22061	0.679486
XLOC_009845	LRRCS59	chr17:48450580-48474914	41.9144	48.8403	0.220628	0.684382
XLOC_022957	SLC35D2	chr9:99082987-99145992	24.6592	28.7339	0.220631	0.693574
XLOC_018581	ACAT2	chr6:160181290-160210735	11.0316	12.8553	0.22073	0.955832
XLOC_011291	AP3D1	chr19:2100986-2151556	14.7942	17.2403	0.22075	0.68158
XLOC_013569	ENTPD6	chr20:25176338-25207360	32.5778	37.9645	0.220761	0.673957
XLOC_013836	SPEF1	chr20:3758150-3762102	0.181557	0.211577	0.220761	1
XLOC_020546	LIMK1	chr7:73498106-73536855	18.243	21.2639	0.221069	0.693477
XLOC_012646	RQCD1	chr2:219433302-219461158	17.8222	20.7753	0.221191	0.689772
XLOC_017178	MCCC2	chr5:70883114-70954530	21.6744	25.2703	0.22145	0.672291
XLOC_008054	PRR14	chr16:30662240-30667734	26.0845	30.4134	0.221512	0.693923
XLOC_008946	TRAF4	chr17:27071022-27077976	19.0827	22.2527	0.221712	0.688049
XLOC_010792	RBM42	chr19:36119979-36128587	56.3699	65.7382	0.221807	0.688872
XLOC_018789	AGER	chr6:32148744-32152099	1.66431	1.94115	0.221991	0.849166
XLOC_015317	SEC61A1	chr3:127771211-127790526	76.8821	89.6738	0.222038	0.673917
XLOC_006123	RCBTB1	chr13:50106081-50159719	4.32543	5.04537	0.222117	0.722814
XLOC_015558	SETD5-AS1	chr3:9430536-9439174	3.53652	4.12533	0.222178	0.788779
XLOC_012839	UCN	chr2:27505296-27531130	2.49476	2.91017	0.222205	0.932026
XLOC_013806	SRXN1	chr20:627267-634014	41.9246	48.9105	0.222349	0.673957
XLOC_007755	WDR73	chr15:85186011-85197521	11.2972	13.1811	0.222508	0.708873
XLOC_013658	TOP1	chr20:39657461-39753126	18.8651	22.0118	0.222552	0.673323
XLOC_004305	SF1	chr11:64532075-64546316	78.5086	91.6094	0.222646	0.684483
XLOC_012990	RTKN	chr2:74652987-74669060	18.5654	21.6642	0.222693	0.692203
XLOC_008310	POLR3K	chr16:96978-103632	34.9577	40.7925	0.222694	0.706481
XLOC_001892	RUSC1-AS1	chr1:155278538-155300909	8.62484	10.0647	0.222738	0.964843
XLOC_010498	FSD1	chr19:4304590-4323843	0.012251	0.0142983	0.22295	1
XLOC_003735	C11orf82	chr11:82612736-82645699	1.7766	2.07352	0.222961	0.784296
XLOC_010210	WDR7	chr18:54318615-54697036	0.644442	0.752148	0.222967	0.805491
XLOC_007914	NAA60	chr16:3493667-3536963	20.1228	23.4864	0.222997	0.691558
XLOC_007687	EDC3	chr15:74922898-74988386	9.66687	11.2836	0.22311	0.688291
XLOC_007860	NDUFB10	chr16:2009516-2011976	118.853	138.734	0.223134	0.676491
XLOC_013940	EDEM2	chr20:33703159-33735161	9.69648	11.3192	0.223241	0.723463
XLOC_011270	TMEM259	chr19:1000436-1021141	71.7687	83.7826	0.223295	0.668626
XLOC_022558	WDR38	chr9:127615695-127624240	0.0184575	0.0215474	0.223305	1
XLOC_004749	C12orf60	chr12:14956505-14976791	1.16239	1.35727	0.223621	0.879418
XLOC_021391	ACTR3C	chr7:149944300-150035245	0.658794	0.76939	0.223887	0.982866
XLOC_000760	RUSC1	chr1:155278538-155300909	26.3019	30.7214	0.22408	0.884488
XLOC_022774	C9orf72	chr9:27546542-27573864	3.9428	4.60548	0.224132	0.746108
XLOC_020408	HOTAIRM1	chr7:27135712-27139877	14.711	17.184	0.224168	0.769834
XLOC_009147	CALCOCO2	chr17:46908349-46942607	12.5577	14.6689	0.224189	0.681478
XLOC_006282	BCL2L2,BCL2L2-f	chr14:23775970-23795394	120.681	140.971	0.224206	0.689317
XLOC_021304	PRRT4	chr7:127990378-128001739	12.699	14.8347	0.224265	0.722602
XLOC_009326	SLC26A11	chr17:78194199-78227308	6.34026	7.40671	0.224291	0.757949

XLOC_002084	UCHL5	chr1:192981495-193060906	10.7908	12.6075	0.224491	0.804859
XLOC_009108	DBF4B	chr17:42785975-42829636	5.57091	6.50914	0.224554	0.736579
XLOC_023252	TBL1X	chrX:9431334-9687780	4.76101	5.56302	0.224602	0.703707
XLOC_010806	SDHAF1	chr19:36486089-36487220	29.9576	35.005	0.224638	0.722053
XLOC_005274	M6PR	chr12:9067315-9102357	67.8255	79.2605	0.224774	0.704283
XLOC_006702	METTL3	chr14:21945334-21979457	11.7161	13.6917	0.224811	0.870725
XLOC_009319	C1QTNF1	chr17:77015290-77045870	12.4281	14.5241	0.224846	0.699003
XLOC_007347	MESDC1	chr15:81293294-81296345	16.3123	19.0664	0.22507	0.705408
XLOC_001067	DISP1	chr1:222988430-223179337	0.19368	0.226396	0.225175	1
XLOC_017286	SNCAIP	chr5:121647819-121814782	0.463171	0.541458	0.225303	0.879418
XLOC_009464	FXR2	chr17:7494547-7536700	43.5368	50.8984	0.225385	0.772942
XLOC_021174	SLC25A13	chr7:95749531-95951459	4.52306	5.2879	0.225396	0.728753
XLOC_010512	SAFB	chr19:5623045-5668489	34.3244	40.1324	0.225534	0.66669
XLOC_014320	HLCS	chr21:38123188-38362545	3.10147	3.62654	0.225641	0.708756
XLOC_006897	PGF	chr14:75408532-75422467	14.0138	16.3876	0.22576	0.727874
XLOC_017604	RAD1	chr5:34905365-34915780	4.2049	4.91719	0.225765	0.703227
XLOC_004478	MTMR2	chr11:95566043-95657371	6.19362	7.24283	0.22577	0.678167
XLOC_008863	CDRT15P1	chr17:13927814-13928915	0.2776	0.324633	0.225804	1
XLOC_011732	SMG9	chr19:44235300-44259142	36.3852	42.5504	0.22582	0.674951
XLOC_001252	SLC2A5	chr1:9097004-9129887	0.0171053	0.0200047	0.225894	1
XLOC_009820	HOXB7	chr17:46684594-46688383	20.95	24.5022	0.22596	0.701881
XLOC_013344	IKZF2	chr2:213864410-214016333	0.0391786	0.0458268	0.226126	1
XLOC_002678	NEURL	chr10:105253734-105352309	5.95394	6.96439	0.226153	0.727043
XLOC_007276	KIF23	chr15:69706626-69740764	9.59772	11.2267	0.226164	0.677324
XLOC_022583	SWI5	chr9:131038424-131051268	35.6349	41.6842	0.226208	0.70055
XLOC_015236	LOC152225	chr3:101659702-101716770	9.14216	10.6942	0.226224	0.708849
XLOC_023163	DNLZ	chr9:139256351-139258263	87.7645	102.672	0.226339	0.692349
XLOC_013372	SLC23A3	chr2:220026180-220034817	0.519024	0.607191	0.226348	0.890489
XLOC_005378	YARS2	chr12:32899477-32908887	31.9136	37.3369	0.226429	0.668001
XLOC_005162	HIP1R	chr12:123320038-123347507	14.4396	16.8965	0.226686	0.676906
XLOC_022785	B4GALT1	chr9:33110638-33167356	8.53923	9.99244	0.22673	0.685573
XLOC_018222	EGFL8,PPT2	chr6:32120578-32145888	37.6751	44.0931	0.226944	0.835405
XLOC_018104	HIST1H3E	chr6:26225382-26225844	0.229227	0.268297	0.22705	1
XLOC_008148	KATNB1	chr16:57769659-57791162	36.6911	42.9452	0.227068	0.665667
XLOC_020613	PPP1R9A	chr7:94536948-94925727	1.42984	1.67357	0.227078	0.718323
XLOC_004695	EMG1	chr12:7079943-7085165	34.1114	39.9272	0.227119	0.688291
XLOC_010777	FXD1	chr19:35629731-35633954	1.00966	1.18186	0.227181	0.933523
XLOC_005514	DNAJC14	chr12:56211805-56236767	9.92355	11.6163	0.22722	0.824372
XLOC_017506	TSPAN17	chr5:176074387-176086059	25.5009	29.8513	0.227242	0.669949
XLOC_017163	CENPH	chr5:68485374-68506184	23.7981	27.8586	0.227274	0.688371
XLOC_012996	AUP1	chr2:74753774-74784678	165.483	193.723	0.227316	0.73942
XLOC_003403	TRIM44	chr11:35684352-35830930	4.88213	5.71553	0.227377	0.694543
XLOC_020451	YAE1D1	chr7:39606002-39612480	11.1788	13.0872	0.227395	0.747301
XLOC_003693	RNF121	chr11:71639767-71708643	8.58579	10.0518	0.227434	0.700927
XLOC_005969	TM9SF2	chr13:100153627-100216302	15.1873	17.7817	0.227529	0.659814
XLOC_013933	PIGU	chr20:33148345-33265089	17.1395	20.0678	0.227558	0.699335
XLOC_002204	NVL	chr1:224415035-224517891	5.93999	6.9558	0.227758	0.707665
XLOC_002660	NOLC1	chr10:103911932-103923627	24.3887	28.5618	0.227877	0.659108
XLOC_012688	SP140L	chr2:231191893-231268445	4.09685	4.79849	0.228067	0.731905

XLOC_006995	CDCA4	chr14:105475909-105487425	35.4253	41.4974	0.228243	0.671557
XLOC_013989	MATN4	chr20:43922086-43946464	0.106548	0.124812	0.228251	1
XLOC_002816	NUDT5	chr10:12171639-12292589	101.981	119.468	0.228325	0.864177
XLOC_012275	MAT2A	chr2:85766100-85788657	29.3957	34.4366	0.228339	0.769079
XLOC_011035	PRMT1	chr19:50180408-50191707	286.915	336.16	0.228526	0.664578
XLOC_008173	TMEM208	chr16:67261015-67263182	74.285	87.0432	0.228662	0.674827
XLOC_011841	NOSIP	chr19:50058724-50083829	70.6094	82.7407	0.228736	0.676146
XLOC_012971	TEX261	chr2:71213067-71222001	27.9577	32.7639	0.228859	0.665775
XLOC_021594	TGS1	chr8:56651319-56738005	7.50715	8.79813	0.228932	0.764456
XLOC_005106	MAPKAPK5	chr12:112277572-112331228	11.5637	13.5526	0.228965	0.775892
XLOC_009346	MAFG-AS1	chr17:79885704-79888629	5.69756	6.67785	0.229039	0.775951
XLOC_023012	PTBP3	chr9:114758831-115112545	12.3244	14.4449	0.22905	0.731665
XLOC_001569	DHCR24	chr1:55315299-55352921	40.2969	47.2316	0.229083	0.67467
XLOC_000026	ATAD3A	chr1:1447522-1470067	53.8519	63.1195	0.229086	0.663419
XLOC_004267	C11orf48	chr11:62430288-62441162	51.2575	60.0806	0.229134	0.757708
XLOC_005806	MRP63	chr13:21727733-21753220	26.8961	31.5287	0.229272	0.768293
XLOC_007249	TRIP4	chr15:64680002-64747502	6.27911	7.36266	0.229667	0.722132
XLOC_022887	C9orf40	chr9:77561498-77567802	9.9195	11.6313	0.229674	0.704317
XLOC_016130	LSG1	chr3:194361516-194393206	7.07238	8.29291	0.229683	0.684767
XLOC_014694	PI4KA	chr22:21061978-21213100	12.1152	14.2084	0.229921	0.691019
XLOC_020564	POR	chr7:75544419-75623992	42.8013	50.2048	0.230171	0.731665
XLOC_014750	AP1B1	chr22:29723668-29784572	22.8596	26.8179	0.230398	0.662604
XLOC_008550	UBE2MP1	chr16:34403801-34404762	3.38631	3.97295	0.230497	0.851733
XLOC_004776	RASSF8	chr12:26107587-26232825	0.118436	0.138959	0.230553	1
XLOC_006409	EIF2S1	chr14:67827033-67853233	19.1679	22.4917	0.230704	0.656753
XLOC_004830	LOC100335030	chr12:49760687-49921207	0.234921	0.275659	0.230709	1
XLOC_008303	SPIRE2	chr16:89894906-89937727	7.90184	9.27318	0.230875	0.713886
XLOC_012379	TTL	chr2:113239742-113290222	9.9382	11.6633	0.230922	0.653218
XLOC_012821	ADCY3	chr2:25013135-25142055	15.9966	18.7737	0.230951	0.744176
XLOC_005167	SETD8	chr12:123868703-123893900	18.072	21.2114	0.231081	0.66768
XLOC_015221	CMSS1	chr3:99273152-99897476	34.832	40.8856	0.231178	0.730925
XLOC_021416	C7orf13	chr7:156431059-156433348	0.84419	0.991058	0.231402	0.872122
XLOC_003070	PIK3AP1	chr10:98353068-98480279	1.84372	2.16465	0.23152	0.739517
XLOC_018810	WDR46	chr6:33246879-33257304	38.1396	44.7809	0.231595	0.653982
XLOC_006457	FLVCR2	chr14:76044939-76114512	0.850282	0.998422	0.231707	0.838891
XLOC_023074	HSPA5	chr9:127997126-128003666	190.599	223.818	0.231782	0.688983
XLOC_016441	LOC100507053	chr4:100010007-100222513	0.0399888	0.0469607	0.23186	1
XLOC_002284	TFB2M	chr1:246703862-246729565	15.9501	18.7317	0.231917	0.681918
XLOC_013408	SP110	chr2:231033644-231090444	1.61076	1.89177	0.232	0.815365
XLOC_013830	SLC4A11	chr20:3208062-3219887	11.283	13.2522	0.232077	0.679452
XLOC_016194	LOC100507266	chr4:4543857-4712664	0.177802	0.208847	0.23218	1
XLOC_021229	FIS1	chr7:100882892-100888371	199.521	234.376	0.232284	0.642802
XLOC_002786	IDI2	chr10:1064846-1095061	8.25942	9.70313	0.232411	0.887337
XLOC_022171	FAM84B	chr8:127564682-127570711	5.55705	6.52852	0.232437	0.680049
XLOC_007763	MRPL46	chr15:89002708-89010633	25.2109	29.6211	0.232575	0.691068
XLOC_016067	NCEH1	chr3:172348434-172429008	1.94205	2.28192	0.232663	0.749866
XLOC_012989	C2orf81	chr2:74641302-74644844	4.84907	5.69778	0.232693	0.775551
XLOC_021189	PDAP1	chr7:98972297-99006305	95.1826	111.848	0.232773	0.759309
XLOC_023931	HDAC8	chrX:71549365-71792953	9.27804	10.9027	0.232793	0.733529

XLOC_016624	GAK	chr4:843064-926174	18.0523	21.2137	0.232807	0.655368
XLOC_004214	TIMM10	chr11:57295935-57298232	55.2168	64.8931	0.232958	0.686247
XLOC_013804	CSNK2A1	chr20:463337-524482	38.6746	45.4614	0.233257	0.64913
XLOC_023848	KCND1	chrX:48818638-48828251	0.316692	0.37227	0.233269	1
XLOC_005083	ISCU	chr12:108956293-108963160	58.6734	68.9726	0.233318	0.655424
XLOC_006095	VWA8	chr13:42140960-42535221	2.03411	2.39118	0.233323	0.804694
XLOC_003064	LOC728558	chr10:97471535-97849992	0.0190672	0.0224156	0.233414	1
XLOC_014506	SLC35E4	chr22:31031792-31043862	10.5925	12.4527	0.23342	0.707074
XLOC_018801	PSMB8	chr6:32808493-32821748	67.3818	79.2202	0.23351	0.820912
XLOC_003909	FOXRED1	chr11:126138934-126148027	25.5981	30.096	0.233533	0.668024
XLOC_004956	XRCC6BP1	chr12:58335444-58351052	4.97594	5.85028	0.233538	0.775951
XLOC_010621	NFIX	chr19:13106583-13209610	8.46263	9.94987	0.233571	0.659662
XLOC_005214	SLC6A13	chr12:329786-372039	0.548525	0.645017	0.23378	0.896143
XLOC_010467	OAZ1	chr19:2269519-2273487	864.401	1016.5	0.233836	0.668024
XLOC_023885	FAM120C	chrX:54094756-54209714	3.10766	3.65448	0.233836	0.879418
XLOC_003341	FAR1	chr11:13690205-13753893	6.24724	7.3469	0.233918	0.659662
XLOC_015313	MCM2	chr3:127317199-127341278	31.7482	37.3409	0.234082	0.646622
XLOC_009732	LEPREL4	chr17:39958204-39968451	22.8584	26.8851	0.234083	0.65422
XLOC_020937	ETV1	chr7:13930855-14031050	0.516674	0.607692	0.234087	0.80005
XLOC_005512	CD63	chr12:56119226-56123457	607.155	714.113	0.234088	0.658997
XLOC_002569	PAPSS2	chr10:89419475-89507462	0.168668	0.198386	0.234123	1
XLOC_021336	DGKI	chr7:137074384-137531609	2.05731	2.41989	0.234183	0.741372
XLOC_005640	CDK17	chr12:96672038-96794366	10.3857	12.2161	0.234188	0.653588
XLOC_010622	NACC1	chr19:13229101-13251961	32.423	38.1398	0.23428	0.637815
XLOC_003709	DNAJB13	chr11:73661363-73681332	0.065455	0.0770051	0.234451	1
XLOC_024174	HAUS7	chrX:152713122-152775004	17.2178	20.2568	0.234507	0.704283
XLOC_012845	FTH1P3	chr2:27604065-27632550	0.176008	0.207078	0.234529	1
XLOC_015598	DPH3	chr3:16298567-16306496	3.42981	4.0353	0.234547	0.703707
XLOC_008289	ACSF3	chr16:89160216-89222171	4.88372	5.74628	0.234645	0.736361
XLOC_010663	AP1M1	chr19:16308664-16346156	17.9444	21.1151	0.234738	0.668626
XLOC_003210	SPRN	chr10:135207620-135238121	2.42367	2.85193	0.234744	0.933369
XLOC_012635	IGFBP2	chr2:217498126-217529158	40.831	48.0465	0.234766	0.680577
XLOC_008790	RPAIN	chr17:5289345-5342471	38.7086	45.552	0.234859	0.939306
XLOC_011481	ASF1B	chr19:14230320-14247440	32.8634	38.6747	0.234911	0.651936
XLOC_023980	GLA	chrX:100645877-100669128	18.3269	21.568	0.234924	0.926279
XLOC_021684	PTDSS1	chr8:97274166-97346774	91.5922	107.825	0.235395	0.644608
XLOC_015855	CD47	chr3:107761940-107809935	6.53196	7.6898	0.235431	0.657199
XLOC_011457	TNPO2	chr19:12810007-12834810	13.571	15.9782	0.235571	0.65306
XLOC_017057	TRIP13	chr5:892968-918164	7.33068	8.63177	0.235709	0.686965
XLOC_005149	ORAI1	chr12:122064454-122079946	33.3965	39.3256	0.235771	0.678561
XLOC_006278	LRP10	chr14:23340959-23347291	41.3473	48.6916	0.235878	0.642802
XLOC_003092	CWF19L1	chr10:101992054-102027437	10.7891	12.706	0.235932	0.661135
XLOC_004565	BCL9L	chr11:118754474-118781613	5.436	6.40182	0.235936	0.657199
XLOC_001533	STIL	chr1:47715810-47779819	3.28346	3.86716	0.236058	0.680015
XLOC_021104	BCL7B	chr7:72950682-72972065	41.6067	49.0103	0.23627	0.641994
XLOC_015482	EIF4G1	chr3:184032282-184053146	39.021	45.9658	0.236309	0.633281
XLOC_022865	CBWD6	chr9:69204537-69262593	3.29398	3.88031	0.23634	0.765218
XLOC_010758	LRP3	chr19:33685598-33716756	33.5915	39.5722	0.236392	0.641463
XLOC_004058	ST5	chr11:8714898-8932498	1.52487	1.79637	0.236403	0.814387

XLOC_006142	THSD1	chr13:52951302-52980629	0.886404	1.04429	0.236484	0.828523
XLOC_005632	NDUFA12	chr12:95365103-95397489	94.0296	110.786	0.236593	0.643112
XLOC_023086	AK1	chr9:130628758-130640022	52.4444	61.7909	0.236606	0.642112
XLOC_004070	MTRNR2L8	chr11:10529433-10530723	35.5176	41.8486	0.236645	0.643627
XLOC_014350	WDR4	chr21:44263189-44299699	9.02828	10.6381	0.236724	0.751304
XLOC_001201	AURKAIP1	chr1:1309109-1310818	229.363	270.277	0.236806	0.648683
XLOC_013585	TPX2	chr20:30326903-30389603	31.8171	37.4949	0.236893	0.641512
XLOC_011236	ZNF587B	chr19:58341661-58357606	2.44376	2.88025	0.237088	0.729864
XLOC_009841	PPP1R9B	chr17:48211100-48227877	15.6354	18.4283	0.237105	0.648214
XLOC_018623	TUBB2B	chr6:3224494-3227968	0.953502	1.12396	0.237285	0.869339
XLOC_001185	FAM41C	chr1:803450-812182	0.419344	0.494353	0.237406	0.905903
XLOC_006644	TRMT61A	chr14:103995508-104003410	12.6466	14.909	0.237441	0.679486
XLOC_006404	FUT8	chr14:65877309-66210839	2.16405	2.55124	0.237466	0.735516
XLOC_009305	MFSD11	chr17:74730196-74775336	3.24013	3.81987	0.237473	0.951198
XLOC_016825	PLAC8	chr4:84011210-84035911	0.133146	0.156983	0.237602	1
XLOC_012584	NDUFB3	chr2:201936461-201950473	61.3282	72.3146	0.237738	0.639952
XLOC_013546	SEC23B	chr20:18488187-18542059	11.0943	13.0828	0.237856	0.645131
XLOC_020994	GGCT	chr7:30536236-30544457	40.6235	47.9093	0.237989	0.654583
XLOC_021340	KIAA1549	chr7:138516126-138666064	1.21686	1.43521	0.238102	0.703975
XLOC_003578	COX8A	chr11:63742078-63744015	821.424	968.94	0.23828	0.642802
XLOC_012899	SRBD1	chr2:45615818-45838433	1.22138	1.44077	0.238332	0.775951
XLOC_001711	WDR77	chr1:111982511-112004525	14.2165	16.7718	0.238472	0.915223
XLOC_020738	CALU	chr7:128379345-128415844	27.17	32.0539	0.238488	0.638761
XLOC_003561	METTL12	chr11:62430288-62441162	4.73744	5.58947	0.238603	0.954535
XLOC_012745	CAPN10	chr2:241526132-241538526	11.4062	13.4576	0.238605	0.696463
XLOC_020523	RABGEF1	chr7:66205642-66309813	4.95498	5.8462	0.238619	0.802621
XLOC_004687	DSTNP2	chr12:6993845-6994950	2.79294	3.29536	0.23865	0.827846
XLOC_010175	GALNT1	chr18:33234532-33291798	4.6951	5.54013	0.238764	0.678167
XLOC_013282	TMEM194B	chr2:191371618-191399468	11.5043	13.5751	0.238791	0.64961
XLOC_007502	MEIS2	chr15:37183221-37393500	2.43946	2.87874	0.238874	0.765267
XLOC_006938	TRIP11	chr14:92434242-92506403	0.922561	1.08874	0.238938	0.761342
XLOC_019070	ECHDC1	chr6:127609856-127664754	20.6427	24.3615	0.238971	0.644946
XLOC_007515	RMDN3	chr15:41028085-41047458	15.7432	18.5809	0.239094	0.659218
XLOC_021733	WDR67	chr8:124084919-124164392	2.15375	2.54204	0.239137	0.743454
XLOC_013294	ANKRD44	chr2:197851385-198175521	0.439244	0.518467	0.239229	0.838891
XLOC_018229	PSMB9	chr6:32821937-32827628	16.2593	19.193	0.23931	0.707415
XLOC_013788	ABHD16B	chr20:62492565-62494341	13.5939	16.047	0.23934	0.754762
XLOC_012863	FAM98A	chr2:33808728-33824362	11.5774	13.6667	0.239354	0.653588
XLOC_000688	GABPB2	chr1:151043079-151091007	1.06246	1.25424	0.2394	0.840418
XLOC_020553	NCF1	chr7:74188308-74203659	0.0201114	0.0237431	0.239495	1
XLOC_019001	GPR63	chr6:97241997-97285353	0.850667	1.00432	0.239557	0.776524
XLOC_006285	NGDN	chr14:23938897-23947402	22.2948	26.3238	0.239659	0.665343
XLOC_015549	SUMF1	chr3:4402828-4508966	8.17918	9.65898	0.239915	0.697011
XLOC_005001	NAV3	chr12:78225068-78606790	7.1218	8.41042	0.239936	0.647315
XLOC_003533	TMEM109	chr11:60681370-60690915	28.741	33.9415	0.239942	0.637815
XLOC_011768	IRF2BP1	chr19:46386865-46389376	18.1675	21.457	0.240091	0.688092
XLOC_021218	TFR2	chr7:100218038-100239173	17.4985	20.6675	0.240132	0.659218
XLOC_023300	EIF2S3	chrX:24073064-24096927	96.28	113.718	0.24015	0.644142
XLOC_021351	NDUFB2-AS1	chr7:140395135-140406446	1.38279	1.63369	0.24055	0.980024

XLOC_010369	CXXC1	chr18:47808712-47814692	20.033	23.6692	0.240632	0.638761
XLOC_002759	PTPRE	chr10:129705324-129884164	1.02901	1.2159	0.240768	0.772124
XLOC_002995	ANXA7	chr10:75135188-75173841	25.2049	29.7834	0.240801	0.633281
XLOC_021376	OR2A7	chr7:143955788-143983096	0.74834	0.884278	0.240805	0.910891
XLOC_003419	EXT2	chr11:44117098-44266980	19.0122	22.467	0.240881	0.633194
XLOC_004631	SNX19	chr11:130745765-130786382	2.09027	2.47013	0.240898	0.708142
XLOC_017103	DNAJC21	chr5:34929697-34959069	3.23478	3.82327	0.241139	0.667588
XLOC_015118	CYB561D2	chr3:50384918-50391496	33.3841	39.4576	0.241144	0.813026
XLOC_016577	GALNT7	chr4:174089903-174245118	3.53608	4.17951	0.241182	0.687345
XLOC_008640	SMPD3	chr16:68392229-68482409	0.321822	0.380381	0.241184	0.880754
XLOC_007764	DET1	chr15:89055713-89089912	2.84497	3.36265	0.241189	0.780964
XLOC_019123	FUCA2	chr6:143815948-143833020	42.3508	50.0615	0.241312	0.635064
XLOC_014428	AIFM3	chr22:21319417-21335649	0.786334	0.929523	0.241349	0.861774
XLOC_016038	KPNA4	chr3:160212782-160283376	8.04133	9.50567	0.241354	0.647419
XLOC_003393	HIPK3	chr11:33279167-33375939	0.316147	0.37374	0.241438	0.848627
XLOC_014372	SUMO3	chr21:46225531-46238044	30.853	36.4756	0.241519	0.633758
XLOC_001045	RPS6KC1	chr1:213224587-213446808	1.25051	1.4785	0.24161	0.759934
XLOC_022047	TCEB1	chr8:74857372-74884522	57.8308	68.3742	0.241615	0.639922
XLOC_006374	PSMA3	chr14:58711522-58764855	76.5174	90.4756	0.24174	0.736305
XLOC_001609	LRRIQ3	chr1:74491701-74663871	0.127056	0.150291	0.2423	1
XLOC_018202	CSNK2B	chr6:31629005-31637843	226.851	268.338	0.242304	0.691843
XLOC_021635	TMEM70	chr8:74888376-74895018	31.2348	36.9488	0.242373	0.62768
XLOC_004660	C12orf5	chr12:4430358-4469190	2.61946	3.09874	0.242411	0.667075
XLOC_005196	PUS1	chr12:132413744-132428406	37.2152	44.025	0.242432	0.642802
XLOC_007153	SPINT1	chr15:41136245-41149853	43.1535	51.0524	0.242503	0.630091
XLOC_000748	ZBTB7B	chr1:154975105-154991001	9.31824	11.0239	0.242503	0.684382
XLOC_011976	FIZ1	chr19:56102736-56110893	6.23409	7.37541	0.242545	0.732699
XLOC_000430	ALG6	chr1:63833260-63904233	2.23566	2.645	0.242566	0.741755
XLOC_006766	BAZ1A	chr14:35221936-35344853	4.37489	5.176	0.24259	0.647477
XLOC_006063	N4BP2L1	chr13:32974859-33002315	0.420425	0.497435	0.24266	0.8626
XLOC_010508	UHRF1	chr19:4909509-4962165	16.2557	19.2352	0.242805	0.633646
XLOC_014935	ARPC4,ARPC4-T	chr3:9821653-9878040	113.287	134.06	0.242896	0.773051
XLOC_021789	EXOSC4	chr8:145133521-145135551	116.083	137.372	0.242932	0.640258
XLOC_013597	MAPRE1	chr20:31407698-31438211	25.915	30.6677	0.242935	0.626914
XLOC_016979	PPID	chr4:159630278-159644552	25.6555	30.3622	0.243006	0.630345
XLOC_017700	ANKRD31	chr5:74364121-74532703	0.0603694	0.0714648	0.243415	1
XLOC_014678	UFD1L	chr22:19437463-19466738	24.6443	29.1764	0.243546	0.640496
XLOC_017420	SLC26A2	chr5:149340299-149366963	1.48157	1.75415	0.243641	0.697905
XLOC_017817	H2AFY	chr5:134670070-134735577	68.3592	80.9397	0.243711	0.630399
XLOC_009146	HOXB-AS5	chr17:46800541-46802119	1.93786	2.29453	0.243736	0.907256
XLOC_000207	HMG2	chr1:26798901-26803133	179.91	213.077	0.244099	0.633194
XLOC_006470	SLIRP	chr14:78174413-78183941	292.142	346.018	0.244177	0.628025
XLOC_008475	NDUFAB1	chr16:23592334-23607639	174.866	207.12	0.244215	0.62186
XLOC_023674	VMA21	chrX:150565656-150577836	11.3161	13.4048	0.244383	0.62768
XLOC_021878	FAM86B2	chr8:12283123-12293852	1.3252	1.56984	0.244409	0.872122
XLOC_003906	HYLS1	chr11:125753508-125773116	2.93751	3.47988	0.244444	0.891383
XLOC_014852	DESI1	chr22:41994031-42017061	20.3649	24.1269	0.244561	0.628539
XLOC_013315	SUMO1	chr2:203070902-203103322	63.6673	75.4354	0.24469	0.637294
XLOC_012475	GPD2	chr2:157291964-157442915	3.69368	4.37648	0.244712	0.646705

XLOC_014021	B4GALT5	chr20:48249482-48330421	10.3718	12.2894	0.24475	0.62969
XLOC_008121	MT1M	chr16:56666533-56667898	190.716	226.001	0.244905	0.633194
XLOC_009431	C1QBP	chr17:5289345-5342471	330.187	391.294	0.244968	0.723759
XLOC_022973	TBC1D2	chr9:100961279-101018003	8.5851	10.174	0.244986	0.700356
XLOC_001510	EIF2B3	chr1:45316193-45452394	5.88321	6.97275	0.245123	0.712117
XLOC_013921	PLAGL2	chr20:30780306-30795546	4.33879	5.14232	0.245128	0.664697
XLOC_018192	MICB	chr6:31465854-31478901	6.88058	8.15497	0.245149	0.687345
XLOC_020573	LOC100133091	chr7:76178657-76257299	3.84443	4.55658	0.24518	0.840418
XLOC_003115	ACTR1A	chr10:104238985-104262512	28.9561	34.3206	0.245209	0.621348
XLOC_013608	C20orf144	chr20:32244892-32262264	0.0726987	0.0861723	0.245295	1
XLOC_010807	WDR62	chr19:36545782-36596012	5.21209	6.17813	0.245311	0.667588
XLOC_012769	TSSC1	chr2:3192740-3381653	14.2069	16.8402	0.245322	0.67663
XLOC_006631	DYNC1H1	chr14:102430864-102517135	25.3754	30.0813	0.245435	0.633281
XLOC_012591	NOP58	chr2:203130514-203168384	42.7248	50.6536	0.245591	0.612746
XLOC_000199	ZNF593	chr1:26496387-26497364	143.432	170.081	0.245855	0.63182
XLOC_016060	EIF5A2	chr3:170606203-170626426	1.15728	1.37244	0.24601	0.740073
XLOC_018717	TRIM27	chr6:28870778-28891768	33.0952	39.249	0.246031	0.622936
XLOC_004172	PSMC3	chr11:47440319-47448024	77.1562	91.5032	0.246041	0.622936
XLOC_006459	IFT43	chr14:76452095-76550416	36.4742	43.2569	0.246055	0.65671
XLOC_022685	GRIN1	chr9:140033608-140064491	0.0758116	0.0899142	0.246131	1
XLOC_008614	FAM96B	chr16:66965957-66968326	159.345	188.997	0.246205	0.622631
XLOC_002949	SLC16A9	chr10:61410521-61469649	3.26907	3.87797	0.246419	0.699917
XLOC_006857	MAX	chr14:65381078-65569413	37.5621	44.5674	0.24671	0.856904
XLOC_012844	PPM1G	chr2:27604065-27632550	107.914	128.039	0.246712	0.612746
XLOC_000913	QSOX1	chr1:180123967-180169859	50.2781	59.6641	0.246934	0.663419
XLOC_013580	HM13	chr20:30102240-30161066	119.111	141.348	0.246937	0.635021
XLOC_009281	LOC100287042	chr17:73267379-73285530	0.235005	0.278968	0.247406	1
XLOC_020402	MPP6	chr7:24613084-24727498	3.17767	3.77222	0.247442	0.733086
XLOC_013321	NDUFS1	chr2:206987802-207024243	10.4949	12.4586	0.247455	0.631444
XLOC_005190	RAN	chr12:131356616-131360826	388.211	460.864	0.247502	0.629512
XLOC_013661	SRSF6	chr20:42086503-42092244	28.6733	34.0433	0.247665	0.614872
XLOC_020656	POP7	chr7:100303675-100305123	131.715	156.388	0.247717	0.623292
XLOC_003832	REXO2	chr11:114310107-114321000	78.282	92.9524	0.247811	0.61923
XLOC_014953	TSEN2	chr3:12525930-12574820	5.69667	6.76429	0.247821	0.703274
XLOC_022470	ANP32B	chr9:100745488-100778224	191.485	227.39	0.247938	0.615677
XLOC_023635	HTATSF1	chrX:135579237-135594503	7.08946	8.42204	0.248494	0.648214
XLOC_020481	UPP1	chr7:48128354-48148330	517.685	615.012	0.24854	0.633194
XLOC_003255	CD81	chr11:2398546-2418649	313.625	372.605	0.248605	0.612808
XLOC_012587	CASP8	chr2:202098165-202152434	6.25691	7.43362	0.248613	0.656612
XLOC_008130	NUP93	chr16:56764016-56878861	21.5323	25.582	0.248627	0.610939
XLOC_008362	ECI1	chr16:2289872-2301602	156.821	186.317	0.248641	0.629574
XLOC_001196	UBE2J2	chr1:1189291-1209234	31.1585	37.0207	0.248706	0.628907
XLOC_013694	CTSA	chr20:44517110-44541003	52.6673	62.5821	0.248844	0.644317
XLOC_015926	ZXDC	chr3:126156443-126194762	5.77029	6.8566	0.248852	0.776769
XLOC_013898	ACSS1	chr20:24986865-25038818	1.056	1.25486	0.248915	0.819558
XLOC_014218	FAM207A	chr21:46359954-46396888	90.8492	108.005	0.249554	0.628282
XLOC_002494	SUPV3L1	chr10:70939992-70968849	19.6929	23.4121	0.249577	0.61923
XLOC_004156	PEX16	chr11:45931219-45939674	24.2368	28.8144	0.249588	0.642802
XLOC_008135	NLRC5	chr16:57050985-57117436	0.954604	1.13495	0.249651	0.765218

XLOC_016486	LOC645513	chr4:120375937-120549981	2.20254	2.61871	0.249693	0.890564
XLOC_005703	ATXN2	chr12:111890017-112037480	5.79088	6.88646	0.24998	0.654907
XLOC_015556	RAD18	chr3:8918879-9005159	3.33551	3.96684	0.25008	0.649187
XLOC_001793	HIST2H2AB	chr1:149859018-149859466	0.314115	0.373645	0.250373	0.970681
XLOC_009330	RPTOR	chr17:78518624-78940173	5.93788	7.06354	0.250444	0.644258
XLOC_009042	THRA	chr17:38218445-38256978	7.39597	8.79863	0.25054	0.865957
XLOC_019165	TCP1	chr6:160181290-160210735	89.3572	106.305	0.250554	0.639079
XLOC_004788	FAR2	chr12:29301935-29488549	3.259	3.87716	0.250573	0.694097
XLOC_017330	PCBD2	chr5:134240809-134298336	2.79734	3.32803	0.250613	0.756508
XLOC_021818	LOC100287015	chr8:6261076-6264069	1.69958	2.02205	0.250643	0.8041
XLOC_002173	LPGAT1	chr1:211916798-212004114	4.36721	5.19622	0.250753	0.623882
XLOC_010291	SPIRE1	chr18:12446510-12657912	5.50812	6.55422	0.250862	0.633194
XLOC_018523	CCDC28A	chr6:139046347-139114456	17.8815	21.2801	0.251032	0.648133
XLOC_018478	SMPDL3A	chr6:123109970-123130864	1.45494	1.73152	0.251081	0.802444
XLOC_023094	LOC100289019	chr9:130873449-130881013	1.73244	2.06201	0.251251	0.764773
XLOC_017555	CLPTM1L	chr5:1317999-1345002	44.0379	52.4157	0.251255	0.612746
XLOC_008803	C17orf49,RNASEH1	chr17:6915735-6922973	376.452	448.076	0.251275	0.642053
XLOC_008118	MT2A	chr16:56642477-56643409	7274.77	8659.89	0.251448	0.651936
XLOC_019183	SFT2D1	chr6:166733516-166755991	103.781	123.542	0.251463	0.616946
XLOC_017224	XRCC4	chr5:82373316-82649579	6.19254	7.3722	0.251565	0.698819
XLOC_012063	GEN1	chr2:17935176-17966632	1.54537	1.84044	0.252095	0.699342
XLOC_001244	KLHL21	chr1:6650783-6662929	38.7361	46.1348	0.252178	0.61405
XLOC_014005	NCOA5	chr20:44689625-44718580	9.43585	11.2407	0.252514	0.632579
XLOC_003951	SLC25A22	chr11:790474-798269	20.8315	24.8177	0.252604	0.62044
XLOC_015338	NEK11	chr3:130745693-131100319	0.593909	0.707579	0.252649	0.912532
XLOC_001537	SPATA6	chr1:48761043-48937876	0.572673	0.682284	0.25266	0.802416
XLOC_000685	BNIP1	chr1:151009028-151020076	0.203158	0.24207	0.252823	1
XLOC_018473	ASF1A	chr6:119134611-119256327	4.94017	5.88655	0.252861	0.72151
XLOC_001729	BCAS2	chr1:115110180-115124265	22.7758	27.1397	0.252903	0.626914
XLOC_020863	SLC4A2	chr7:150755298-150773614	64.1072	76.3921	0.252936	0.607733
XLOC_008369	SRRM2-AS1	chr16:2787076-2821413	0.330462	0.393806	0.253003	0.976592
XLOC_018493	L3MBTL3	chr6:130339727-130462594	1.04704	1.24783	0.253105	0.773332
XLOC_011269	R3HDM4	chr19:896502-913225	86.7917	103.439	0.253156	0.605249
XLOC_022224	FAM83H	chr8:144806102-144815914	34.723	41.385	0.253217	0.593433
XLOC_000772	SLC25A44	chr1:156163729-156182587	5.88559	7.01592	0.253444	0.651514
XLOC_017963	NOP16	chr5:175810939-175815763	92.6485	110.452	0.25358	0.607733
XLOC_010127	SLMO1	chr18:12407894-12432236	6.96648	8.30556	0.253649	0.72856
XLOC_001665	ALG14	chr1:95448278-95538507	5.27826	6.29325	0.253744	0.765218
XLOC_008395	CORO7,CORO7-F	chr16:4390251-4466962	157.798	188.143	0.253754	0.73699
XLOC_004729	LOC100129361	chr12:10998447-11328619	5.09302	6.07301	0.25389	0.640604
XLOC_015540	DLG1-AS1	chr3:196769430-197030621	0.195464	0.233119	0.254162	1
XLOC_001795	SF3B4	chr1:149895208-149900144	61.6585	73.5463	0.254354	0.593433
XLOC_017952	SH3PXD2B	chr5:171760502-171881527	3.67574	4.38451	0.25438	0.633646
XLOC_021101	NSUN5	chr7:72716513-72722864	29.5736	35.2825	0.254642	0.613583
XLOC_014847	RANGAP1	chr22:41641614-41682216	93.7674	111.875	0.254728	0.614755
XLOC_022475	SEC61B	chr9:101984569-101992901	306.88	366.143	0.254733	0.592657
XLOC_012415	TSN	chr2:122513120-122525428	20.6978	24.6965	0.254832	0.599775
XLOC_018552	ULBP2	chr6:150263135-150270368	11.4361	13.6458	0.254865	0.680049
XLOC_010465	SF3A2	chr19:2236815-2248678	96.8721	115.599	0.254971	0.596658

XLOC_001263	SRM	chr1:11114648-11120091	166.807	199.062	0.255039	0.59484
XLOC_009186	SCPEP1	chr17:55055467-55084129	10.1263	12.0846	0.25507	0.652401
XLOC_021191	ZNF394	chr7:99090853-99097877	13.168	15.7161	0.255206	0.633194
XLOC_000862	SFT2D2	chr1:168195254-168212088	3.38601	4.04122	0.255206	0.820487
XLOC_002834	RSU1	chr10:16632616-16859453	11.5808	13.8227	0.2553	0.600595
XLOC_000221	FAM76A	chr1:28052489-28089423	1.0539	1.25809	0.255494	0.7898
XLOC_005689	FAM222A-AS1	chr12:110152186-110211292	3.43639	4.10284	0.255728	0.898682
XLOC_007509	ANKRD63	chr15:40573644-40574787	0.0758386	0.0905473	0.25574	1
XLOC_014615	ARHGAP8,PRR5	chr22:45064426-45258664	28.5555	34.0972	0.255883	0.632632
XLOC_013955	SAMHD1	chr20:35504569-35580246	1.17689	1.40548	0.256076	0.779476
XLOC_014299	SYNJ1	chr21:34001068-34100351	0.614487	0.733905	0.256211	0.760716
XLOC_001035	DTL	chr1:212113740-212278187	5.99024	7.15495	0.256329	0.760301
XLOC_002500	H2AFY2	chr10:71812356-71892690	19.0587	22.7647	0.256346	0.838269
XLOC_005184	LINC00507	chr12:128399954-128436097	0.0653106	0.0780148	0.256429	1
XLOC_000640	RBM8A	chr1:145507556-145516076	23.1532	27.6575	0.256458	0.664979
XLOC_012421	SFT2D3	chr2:128458596-128461407	6.99907	8.36163	0.256619	0.677165
XLOC_007905	ZNF205	chr16:3160460-3170518	17.4816	20.8861	0.256705	0.651993
XLOC_013510	PANK2	chr20:3869485-3904502	13.5438	16.184	0.256939	0.630883
XLOC_018175	ATAT1	chr6:30594612-30614598	1.50128	1.79402	0.256996	0.832978
XLOC_000498	LRRC8B	chr1:89990396-90063420	1.43874	1.71941	0.257102	0.684767
XLOC_011255	WASH5P	chr19:60950-70966	2.8141	3.36316	0.257144	0.821611
XLOC_013468	DTYMK	chr2:242615156-242626383	64.8688	77.532	0.257267	0.605249
XLOC_001876	PMVK	chr1:154897207-154909484	25.0646	29.9647	0.25761	0.629636
XLOC_018241	PFDN6	chr6:33257373-33258711	108.517	129.748	0.257796	0.608991
XLOC_007885	AMDHD2	chr16:2570362-2581409	25.2858	30.2356	0.257919	0.722516
XLOC_005739	MSI1	chr12:120779132-120806983	16.8807	20.1856	0.257949	0.620049
XLOC_009979	MRPL38	chr17:73894723-73901181	97.8398	117	0.258018	0.59116
XLOC_003863	NLRX1	chr11:119039439-119054725	7.30137	8.73133	0.258035	0.648214
XLOC_016744	RPL21P44	chr4:54851665-54853449	0.0656182	0.078479	0.258211	1
XLOC_013647	SNHG11	chr20:37075296-37079564	12.2624	14.6665	0.258285	0.706362
XLOC_007691	SCAMP2	chr15:75137196-75165670	33.4784	40.044	0.258355	0.624571
XLOC_011972	ISOC2	chr19:55964345-55973049	85.8811	102.732	0.258476	0.599775
XLOC_015340	NUDT16	chr3:131100514-131107674	6.89385	8.2466	0.258491	0.874294
XLOC_018324	SLC29A1	chr6:44187241-44201888	61.2927	73.3206	0.258504	0.592657
XLOC_003940	HRAS	chr11:532241-535550	37.8739	45.3063	0.258507	0.617011
XLOC_009881	PTRH2	chr17:57774666-57784856	44.7661	53.57	0.259016	0.60666
XLOC_022161	ATAD2	chr8:124332090-124408705	10.2046	12.213	0.259201	0.586149
XLOC_008073	ITGAM	chr16:31271287-31344213	0.0198653	0.0237758	0.259246	1
XLOC_023586	LONRF3	chrX:118108712-118151949	2.43074	2.90936	0.259303	0.752397
XLOC_021139	HGF	chr7:81331443-81399452	3.21025	3.84244	0.259337	0.779476
XLOC_004647	ADIPOR2	chr12:1800246-1897845	9.84215	11.7813	0.259457	0.59463
XLOC_018522	FLJ46906	chr6:139012804-139018425	4.67508	5.59647	0.259525	0.772699
XLOC_005091	FAM222A	chr12:110152186-110211292	1.22053	1.46116	0.259604	0.89536
XLOC_015461	TTC14	chr3:180319917-180328918	1.41743	1.69694	0.259657	0.757598
XLOC_004718	LOC374443	chr12:9769879-9811010	0.987177	1.1819	0.259728	0.810757
XLOC_008099	NKD1	chr16:50582240-50674771	1.11769	1.3382	0.259775	0.70639
XLOC_014969	SH3BP5-AS1	chr3:15295690-15382901	0.780083	0.934092	0.259937	0.920464
XLOC_007919	DNAJA3	chr16:4475805-4506775	36.0249	43.1376	0.259949	0.597006
XLOC_003076	MORN4	chr10:99374309-99393913	4.41082	5.28197	0.260028	0.693574

XLOC_005730	TAOK3	chr12:118587605-118810750	1.17887	1.41175	0.260078	0.746171
XLOC_018309	SRF	chr6:43138919-43149244	22.8294	27.3411	0.260174	0.584417
XLOC_004527	PIH1D2	chr11:111895537-111944895	1.20735	1.44598	0.260206	0.952184
XLOC_002065	RGS16	chr1:182567757-182573548	4.09878	4.9093	0.26032	0.704317
XLOC_012226	MXD1	chr2:70142172-70170076	6.23764	7.4724	0.260572	0.612247
XLOC_024196	G6PD	chrX:153759605-153793261	22.6223	27.1017	0.260639	0.685792
XLOC_010809	TBCB	chr19:36602104-36616849	77.2557	92.564	0.260809	0.718059
XLOC_006818	CNIH	chr14:54893646-54908148	64.0534	76.7504	0.260898	0.59512
XLOC_008414	TEKT5	chr16:10721360-10788802	0.0793833	0.0951406	0.261225	1
XLOC_012105	GCKR	chr2:27719705-27746550	0.0991393	0.118823	0.261281	1
XLOC_009528	COPS3	chr17:17149937-17184617	36.7453	44.0421	0.261322	0.575745
XLOC_009166	RSAD1	chr17:48556189-48563336	29.9759	35.9289	0.261342	0.59116
XLOC_007142	DISP2	chr15:40650433-40663256	0.882903	1.0583	0.261417	0.806275
XLOC_011956	PPP1R12C	chr19:55602280-55628968	18.4504	22.1161	0.261448	0.621022
XLOC_002763	PPP2R2D	chr10:133747959-133770053	12.3263	14.7764	0.261555	0.630399
XLOC_015808	EOGT	chr3:69024367-69062774	4.52485	5.42505	0.261764	0.630699
XLOC_022230	PLEC	chr8:144989320-145050913	16.3874	19.6478	0.26178	0.578553
XLOC_015312	PLXNA1	chr3:126707436-126756235	6.36685	7.63378	0.26182	0.590733
XLOC_015993	PLSCR1	chr3:146232966-146262628	5.21737	6.25616	0.261954	0.678167
XLOC_001596	GNG12	chr1:68167148-68698284	25.0287	30.0142	0.262059	0.756208
XLOC_006264	METT17	chr14:21457964-21465194	36.1023	43.2941	0.26208	0.57574
XLOC_023714	IKBKKG	chrX:153759605-153793261	11.7357	14.0736	0.262094	0.839471
XLOC_020649	MEPCE	chr7:99998494-100031749	54.4156	65.2579	0.262131	0.609125
XLOC_013926	CDK5RAP1	chr20:31946644-31989337	15.7159	18.8483	0.262207	0.604499
XLOC_023661	CXorf40A	chrX:148622518-148632086	6.15046	7.37722	0.262382	0.688291
XLOC_006634	TECPR2	chr14:102829299-102968818	0.740761	0.888529	0.26241	0.764528
XLOC_011672	ZNF780B	chr19:40534166-40562115	0.658946	0.790416	0.262452	0.724492
XLOC_015277	TIMMDC1	chr3:119217367-119243125	37.0862	44.4909	0.262629	0.581421
XLOC_004500	CASP4	chr11:104813593-104839325	156.091	187.258	0.262642	0.592652
XLOC_009088	IFI35	chr17:41158741-41166476	4.76999	5.72297	0.262777	0.765267
XLOC_002248	SIPA1L2	chr1:232533711-232651243	0.287044	0.344436	0.262961	1
XLOC_010198	SKA1	chr18:47901391-47920538	7.80247	9.36268	0.262991	0.62793
XLOC_008517	DCTPP1	chr16:30435018-30441373	92.9095	111.505	0.263215	0.580893
XLOC_018097	HIST1H2AC	chr6:26124372-26124918	3.70991	4.45264	0.263276	0.884031
XLOC_011412	DNMT1	chr19:10244021-10305755	17.9699	21.5679	0.263308	0.566752
XLOC_013784	RTEL1, TNFRSF6l	chr20:62289162-62367494	6.10664	7.32984	0.263402	0.900642
XLOC_021695	POLR2K	chr8:101162838-101166230	56.9711	68.3877	0.263507	0.574558
XLOC_010963	NPAS1	chr19:47524142-47549017	2.67033	3.20553	0.263546	0.811033
XLOC_009547	B9D1	chr17:19240866-19290532	34.3552	41.2413	0.263563	0.754905
XLOC_018875	MRPS10	chr6:42174538-42185633	20.0029	24.0139	0.263661	0.586149
XLOC_018271	C6orf89	chr6:36853639-36896740	4.56727	5.48326	0.263704	0.608336
XLOC_015054	ABHD5	chr3:43732374-43764217	2.57755	3.0945	0.263707	0.642729
XLOC_020540	WBSCR22	chr7:73097897-73112551	108.433	130.183	0.263734	0.568684
XLOC_023274	CA5BP1	chrX:15693038-15721474	11.6761	14.0184	0.263767	0.704477
XLOC_002739	LOC399815	chr10:124591670-124658230	0.497207	0.596973	0.26382	0.934861
XLOC_011309	MFSD12	chr19:3538262-3557571	75.3164	90.4301	0.263839	0.589092
XLOC_018745	FLOT1	chr6:30695510-30710453	106.618	128.02	0.263924	0.580893
XLOC_012966	TGFA	chr2:70674411-70781147	1.84637	2.21759	0.264302	0.705194
XLOC_000841	C1orf226	chr1:162348695-162356608	1.38372	1.66195	0.264321	0.739517

XLOC_015767	RFT1	chr3:53122500-53164470	8.81533	10.5892	0.264502	0.581794
XLOC_019149	RGS17	chr6:153332031-153452389	0.0323855	0.0389027	0.264522	1
XLOC_011368	INSR	chr19:7112265-7294011	2.6499	3.1834	0.264631	0.608864
XLOC_002498	C10orf35	chr10:71390002-71393355	23.0089	27.6418	0.264658	0.623939
XLOC_001540	DMRTA2	chr1:50883222-50889119	6.33797	7.61417	0.264665	0.699464
XLOC_000674	MRPS21	chr1:150266268-150280819	362.952	436.065	0.264767	0.592939
XLOC_004333	FOSL1	chr11:65659691-65667997	329.585	395.99	0.264812	0.592157
XLOC_010573	MRPL4	chr19:10362639-10370736	153.844	184.853	0.264911	0.581347
XLOC_008642	COG8,PDF	chr16:69362523-69377013	28.2487	33.943	0.264927	0.850179
XLOC_023780	MAP3K15	chrX:19362010-19533379	0.66184	0.795277	0.264974	0.967458
XLOC_007413	SLCO3A1	chr15:92396937-92715665	2.27852	2.73791	0.264978	0.757708
XLOC_023426	APEX2	chrX:55026755-55034306	21.6272	25.9927	0.265261	0.599775
XLOC_005113	OAS3	chr12:113376248-113411054	1.59685	1.91927	0.265326	0.687395
XLOC_015179	KBTBD8	chr3:67048726-67061632	0.904595	1.08729	0.265388	0.743519
XLOC_010958	PPP5C	chr19:46850250-46894232	30.5845	36.762	0.265412	0.582753
XLOC_008307	DEF8	chr16:90015138-90034468	41.3859	49.7522	0.265621	0.72141
XLOC_019184	MPC1	chr6:166778407-166796501	16.2465	19.5311	0.265646	0.663013
XLOC_015923	SLC41A3	chr3:125725199-125820391	19.0839	22.9428	0.265686	0.599775
XLOC_014097	ANKRD30BP2	chr21:14410486-14490571	0.0497542	0.0598195	0.265797	1
XLOC_007433	ASB7	chr15:101142754-101191904	2.24509	2.69951	0.265926	0.745392
XLOC_021961	LSM1	chr8:38020838-38070819	33.9493	40.8221	0.265971	0.711178
XLOC_011685	ADCK4	chr19:41197433-41222790	21.2981	25.6109	0.266029	0.59484
XLOC_017973	LMAN2	chr5:176758562-176778885	104.634	125.824	0.266055	0.567668
XLOC_001110	KCNK1	chr1:233749749-233808258	13.3673	16.0789	0.266459	0.601696
XLOC_008807	ELP5	chr17:7155371-7166512	47.9434	57.6713	0.266521	0.582537
XLOC_007172	TMEM62	chr15:43425721-43477341	8.39781	10.1022	0.26658	0.625461
XLOC_008325	RPUSD1	chr16:834973-838383	74.8912	90.0944	0.266642	0.571233
XLOC_005501	ZNF385A	chr12:54762919-54785083	14.7774	17.7773	0.266645	0.612746
XLOC_003868	OAF	chr11:120081746-120100650	46.8362	56.3449	0.266663	0.577729
XLOC_022902	C9orf64	chr9:86553226-86571663	9.73021	11.7057	0.26667	0.614163
XLOC_000823	PPOX	chr1:161136180-161141010	15.5163	18.6671	0.266707	0.623939
XLOC_017710	LHFPL2	chr5:77781037-77944648	2.42557	2.91842	0.266865	0.65944
XLOC_013767	OGFR	chr20:61436176-61445352	39.2519	47.23	0.266941	0.570328
XLOC_008524	ZNF689	chr16:30613878-30622096	3.65122	4.39347	0.266982	0.696511
XLOC_009973	H3F3B	chr17:73772514-73775860	204.538	246.143	0.267128	0.587374
XLOC_021792	MAF1	chr8:145159304-145162515	192.655	231.859	0.267228	0.578405
XLOC_015677	KIF9	chr3:47205859-47388306	1.2783	1.53847	0.267268	0.906423
XLOC_006320	SRP54	chr14:35452103-35498773	8.77608	10.5627	0.267334	0.60714
XLOC_021263	PNPLA8	chr7:108110865-108168605	1.76402	2.12346	0.267552	0.684216
XLOC_003384	RCN1	chr11:32112476-32127272	62.3261	75.0292	0.267616	0.576342
XLOC_010089	USP14	chr18:158482-213739	10.7348	12.9235	0.267699	0.573142
XLOC_022597	LRRC8A	chr9:131644390-131680317	12.8854	15.5126	0.267705	0.588874
XLOC_022258	DOCK8	chr9:213107-465259	0.365533	0.440063	0.267708	0.812322
XLOC_010012	RBFOX3	chr17:77085426-77478563	0.0331728	0.0399369	0.267721	1
XLOC_003789	BIRC2	chr11:102217912-102249401	16.6149	20.0041	0.267817	0.585353
XLOC_020901	PSMG3	chr7:1606969-1609668	58.5187	70.456	0.267824	0.59484
XLOC_022128	KLF10	chr8:103661004-103667983	12.2468	14.7467	0.267993	0.59301
XLOC_018009	MGAT1	chr5:180217540-180237137	32.1125	38.6728	0.268185	0.573798
XLOC_002833	C1QL3	chr10:16478941-16564004	0.327436	0.394337	0.268216	0.978818

XLOC_016816	HNRNPD	chr4:83274466-83295149	118.222	142.379	0.26823	0.566136
XLOC_014531	MCM5	chr22:35796115-35820495	33.4286	40.264	0.268409	0.580093
XLOC_002208	LBR	chr1:225589203-225616557	10.1923	12.2769	0.268456	0.580746
XLOC_008063	FBXL19	chr16:30930639-30960104	10.9898	13.2375	0.268462	0.61469
XLOC_003136	BBIP1	chr10:112631552-112679124	7.72135	9.30133	0.268584	0.874789
XLOC_012143	RMDN2	chr2:38152461-38294285	0.341123	0.410929	0.268597	0.88197
XLOC_008526	C16orf93	chr16:30759619-30787628	2.74999	3.31282	0.268635	0.964442
XLOC_009799	WNT3	chr17:44841686-44896082	1.08287	1.30452	0.268652	0.86364
XLOC_002937	FLJ31813	chr10:51780941-51827563	0.33223	0.400278	0.268818	0.88321
XLOC_005568	LLPH	chr12:66516848-66524533	47.9609	57.7844	0.268821	0.56885
XLOC_009432	DHX33	chr17:5344231-5372380	9.22096	11.1099	0.268855	0.564651
XLOC_016213	SH3TC1	chr4:8201059-8242830	3.70388	4.46278	0.268905	0.683816
XLOC_022578	SLC25A25	chr9:130830478-130871537	16.216	19.5396	0.268982	0.574243
XLOC_018872	CCND3	chr6:41902670-42016610	27.4714	33.1023	0.269004	0.592013
XLOC_004867	MFSD5	chr12:53645369-53648190	22.5385	27.1584	0.26901	0.593927
XLOC_022221	PYCRL	chr8:144686082-144691784	23.503	28.3231	0.269134	0.578405
XLOC_011534	LSM4	chr19:18417039-18434001	140.03	168.754	0.26919	0.565559
XLOC_018546	UST	chr6:149068270-149398126	2.52665	3.04497	0.269202	0.663419
XLOC_001498	EBNA1BP2	chr1:43629844-43720029	81.6412	98.3942	0.269276	0.566297
XLOC_011312	PIP5K1C	chr19:3630178-3700477	8.01851	9.66556	0.26952	0.601217
XLOC_007659	ANP32A	chr15:69070874-69113261	47.7585	57.5696	0.269548	0.555083
XLOC_008205	WWP2	chr16:69796186-69975644	10.4668	12.6185	0.269712	0.59463
XLOC_015394	RNF13	chr3:149530474-149679925	6.10683	7.36235	0.269741	0.629512
XLOC_008791	MIS12	chr17:5389693-5394130	8.4748	10.2189	0.269992	0.622503
XLOC_018488	CENPW	chr6:126661252-126669754	56.9927	68.7232	0.27002	0.623939
XLOC_010462	CSNK1G2	chr19:1941160-1981336	33.913	40.8936	0.270038	0.564045
XLOC_000121	DDI2,RSC1A1	chr1:15943952-15988217	2.19116	2.64225	0.270077	0.748337
XLOC_014839	RPS19BP1	chr22:39925097-39928860	118.194	142.532	0.27013	0.563587
XLOC_011983	ZSCAN5A	chr19:56732678-56739659	0.550347	0.66368	0.270146	0.861051
XLOC_006909	POMT2	chr14:77741298-77787225	3.08121	3.71579	0.270172	0.64317
XLOC_017168	OCLN	chr5:68788118-68853931	4.60707	5.55647	0.27032	0.597911
XLOC_007334	CHRNA5	chr15:78857861-78913637	1.69349	2.04298	0.270674	0.722151
XLOC_003155	RAB11FIP2	chr10:119764426-119806114	1.34492	1.62265	0.270827	0.67467
XLOC_021777	GLI4	chr8:144349606-144359101	28.3561	34.2151	0.270976	0.650967
XLOC_011419	CDC37	chr19:10501808-10514271	253.414	305.857	0.271359	0.687986
XLOC_002998	USP54	chr10:75257295-75335433	0.930316	1.12298	0.271545	0.718059
XLOC_022666	FAM69B	chr9:139607023-139622636	3.19774	3.86047	0.271724	0.977897
XLOC_018892	MRPS18A	chr6:43638933-43655549	66.2248	79.95	0.271727	0.558518
XLOC_009569	SLC46A1	chr17:26698986-26733230	5.47431	6.60898	0.27175	0.604911
XLOC_015949	PIK3R4	chr3:130397777-130465696	2.68342	3.23969	0.271781	0.633194
XLOC_003086	SLC25A28	chr10:101370274-101380221	18.6695	22.5405	0.271841	0.603622
XLOC_011341	LONP1	chr19:5691844-5720463	96.0171	115.941	0.272026	0.568192
XLOC_020359	AIMP2	chr7:6048881-6098860	11.7879	14.235	0.272135	0.934331
XLOC_011769	MYPOP	chr19:46393280-46405862	9.84064	11.8847	0.272278	0.679486
XLOC_015422	MFSD1	chr3:158519714-158547508	11.4292	13.8069	0.272662	0.596867
XLOC_021073	CHCHD2	chr7:56169265-56174187	769.931	930.192	0.272799	0.578092
XLOC_016316	FIP1L1	chr4:54243819-54326103	9.67817	11.6937	0.272919	0.600393
XLOC_010744	CCNE1	chr19:30302900-30315215	14.8188	17.9058	0.273001	0.591942
XLOC_000213	SFN	chr1:27189632-27190947	61.6759	74.5244	0.273007	0.559351

XLOC_011354	KHSRP	chr19:6413118-6424822	58.6676	70.8984	0.27319	0.543076
XLOC_001425	ZBTB8OS	chr1:33087306-33116185	13.4719	16.2825	0.273364	0.67701
XLOC_016285	LIAS	chr4:39460664-39479271	9.37587	11.3323	0.273422	0.61138
XLOC_010043	ARHGDI1A	chr17:79825596-79829282	252.321	305.03	0.273694	0.562668
XLOC_009996	SRSF2	chr17:74730196-74775336	85.7567	103.702	0.274122	0.594419
XLOC_006893	LTBP2	chr14:74964885-75079034	0.644858	0.780072	0.274626	0.752311
XLOC_007677	NPTN	chr15:73735498-73925753	19.7338	23.875	0.274832	0.56885
XLOC_001800	MCL1	chr1:150547026-150552214	74.2235	89.8036	0.274898	0.551866
XLOC_005793	ANKLE2	chr12:133302253-133338451	12.9248	15.6416	0.275245	0.566913
XLOC_010247	CNDP2	chr18:72163499-72190689	17.016	20.5927	0.275246	0.552625
XLOC_011981	ZNF787	chr19:56598731-56632649	72.8726	88.1987	0.275382	0.559351
XLOC_006098	CCDC122	chr13:44410488-44468068	1.16346	1.40843	0.275665	0.871053
XLOC_002506	SLC29A3	chr10:73079009-73123147	6.89656	8.34876	0.275684	0.652628
XLOC_013937	GSS	chr20:33516235-33543601	67.4564	81.6737	0.275916	0.546288
XLOC_005646	ANKS1B	chr12:99039077-100378432	2.4936	3.0192	0.275934	0.813397
XLOC_001465	SF3A3	chr1:38422651-38455761	35.9982	43.5858	0.275936	0.547706
XLOC_001718	RHOC	chr1:113243748-113250025	266.933	323.287	0.276338	0.559079
XLOC_002970	AIFM2	chr10:71812356-71892690	19.8895	24.0897	0.276407	0.704317
XLOC_010401	TMX3	chr18:66340924-66382353	5.74299	6.9559	0.276434	0.581794
XLOC_018620	HTATSF1P2	chr6:3020389-3025005	2.35669	2.85459	0.276521	0.658831
XLOC_015737	TMEM115	chr3:50392179-50396939	36.0642	43.6874	0.27665	0.55829
XLOC_001442	PSMB2	chr1:36065142-36107445	31.318	37.9477	0.277022	0.532407
XLOC_005598	E2F7	chr12:77415025-77459360	2.99668	3.63109	0.277039	0.608864
XLOC_014502	CCDC157	chr22:30727976-30773894	0.514186	0.623082	0.277133	0.977096
XLOC_021242	DNAJC2	chr7:102937872-102985320	22.8005	27.6294	0.277143	0.818631
XLOC_007823	SOLH	chr16:577855-604636	28.9884	35.1282	0.277154	0.539043
XLOC_009331	CHMP6	chr17:78965640-78973933	13.2614	16.0706	0.277193	0.635374
XLOC_020466	DBNL	chr7:44084238-44101315	37.9693	46.0128	0.277201	0.551968
XLOC_016700	SEPSECS	chr4:25121626-25162204	0.895322	1.08517	0.277444	0.715755
XLOC_010197	SCARNA17	chr18:47340392-47340813	6.61237	8.01455	0.277455	0.842989
XLOC_010447	ATP5D	chr19:1241748-1244824	365.672	443.231	0.277508	0.549186
XLOC_001390	RPA2	chr1:28218048-28241236	27.9906	33.9276	0.277519	0.540163
XLOC_010456	APC2	chr19:1450147-1479228	0.920247	1.11546	0.277544	0.93113
XLOC_018234	SLC39A7	chr6:33168602-33172214	42.2665	51.2409	0.27778	0.536705
XLOC_018763	GPANK1	chr6:31629005-31637843	19.3105	23.4119	0.277855	0.879055
XLOC_002964	PBLD	chr10:70042416-70102953	0.49115	0.595469	0.277862	0.98206
XLOC_000361	TOE1	chr1:45794913-45956840	10.475	12.7045	0.278391	0.757708
XLOC_016026	SSR3	chr3:156257928-156272973	240.613	291.85	0.27851	0.582318
XLOC_018802	TAP1	chr6:32808493-32821748	24.6766	29.9316	0.278526	0.8146
XLOC_015905	PARP9	chr3:122246759-122294049	1.76184	2.13719	0.278635	0.81677
XLOC_017843	SIL1	chr5:138282409-138534065	39.5601	47.9892	0.278663	0.540664
XLOC_017900	ZNF300	chr5:150273953-150284545	5.5892	6.78059	0.27877	0.581347
XLOC_015931	MGLL	chr3:127407904-127542093	28.9813	35.1652	0.279026	0.532783
XLOC_021862	XKR6	chr8:10753656-11058875	0.162156	0.196761	0.279062	1
XLOC_015421	GFM1	chr3:158362316-158410360	7.34362	8.91117	0.279124	0.647731
XLOC_002536	PPIF	chr10:81107219-81115089	60.5611	73.49	0.279158	0.53682
XLOC_008015	KIAA0556	chr16:27561467-27791692	1.57744	1.91425	0.279199	0.666852
XLOC_010348	ST8SIA5	chr18:44259080-44337039	0.017333	0.0210366	0.279373	1
XLOC_023025	POLE3	chr9:116169517-116191879	39.005	47.3404	0.279413	0.542814

XLOC_004931	SPRYD4	chr12:56862300-56882181	8.57934	10.4157	0.279821	0.801574
XLOC_015566	LOC401052	chr3:10048101-10052779	1.76101	2.13811	0.279934	0.791672
XLOC_002633	R3HCC1L	chr10:99894380-100004654	6.06975	7.37049	0.280124	0.653218
XLOC_022598	PHYHD1	chr9:131683173-131704320	0.0642551	0.0780289	0.280199	1
XLOC_000120	DNAJC16	chr1:15853351-15911605	2.13571	2.59398	0.280453	0.803226
XLOC_019137	NUP43	chr6:150045456-150067688	9.37248	11.3843	0.280541	0.554974
XLOC_014630	TRMU	chr22:46731297-46753237	18.207	22.1159	0.280592	0.566136
XLOC_015141	SMIM4	chr3:52570620-52574586	65.1623	79.1523	0.280593	0.629991
XLOC_006082	PROSER1	chr13:39584001-39612213	5.99344	7.28039	0.280632	0.579868
XLOC_002493	VPS26A	chr10:70883907-70932616	21.5542	26.1856	0.280804	0.539268
XLOC_001378	GPATCH3	chr1:27216978-27226962	7.54165	9.16339	0.281001	0.625266
XLOC_022141	SYBU	chr8:110586404-110704020	6.76276	8.21756	0.281097	0.604499
XLOC_013431	MSL3P1	chr2:234774089-234777055	4.20267	5.10718	0.28122	0.668024
XLOC_014753	THOC5	chr22:29904155-29949736	26.7411	32.4997	0.28137	0.546288
XLOC_009878	SKA2	chr17:57187307-57232800	15.899	19.3253	0.281557	0.544405
XLOC_008013	IL4R	chr16:27325229-27376099	6.42401	7.80874	0.281617	0.584407
XLOC_003362	ZDHHC13	chr11:19138691-19197967	6.68617	8.12845	0.281801	0.6086
XLOC_001482	PPT1	chr1:40538381-40563142	43.6834	53.1089	0.281867	0.522524
XLOC_012527	HOXD9	chr2:176987412-176989645	10.2032	12.4058	0.281997	0.653588
XLOC_000506	KIAA1107	chr1:92632608-92650280	0.234302	0.284962	0.282402	1
XLOC_020594	STEAP1	chr7:89783688-89794141	9.89621	12.0368	0.282506	0.608864
XLOC_011404	ZNF562	chr19:9759337-9785776	3.54672	4.3139	0.282507	0.581794
XLOC_001647	GEMIN8P4	chr1:90458823-90460525	0.921494	1.12101	0.282754	0.838228
XLOC_021230	RABL5	chr7:100956647-100965093	8.81764	10.7271	0.282796	0.581797
XLOC_021690	C8orf47	chr8:99076749-99105838	7.45173	9.06566	0.282836	0.759934
XLOC_010313	KCTD1	chr18:24034873-24237365	2.41428	2.93726	0.282875	0.730157
XLOC_016089	CLCN2	chr3:184053716-184079439	5.8669	7.13842	0.283006	0.81334
XLOC_000364	NASP	chr1:46049659-46084578	40.9934	49.8782	0.283017	0.533447
XLOC_014466	SPECC1L	chr22:24666789-24813708	6.31308	7.68147	0.283037	0.566906
XLOC_013760	ADRM1	chr20:60878026-60883918	143.652	174.795	0.283089	0.524638
XLOC_013065	MITD1	chr2:99785725-99797492	16.6934	20.3129	0.283115	0.614106
XLOC_001311	RCC2	chr1:17733250-17766250	20.6511	25.1292	0.283146	0.523539
XLOC_022239	FBXL6	chr8:145579087-145582183	52.5611	63.9603	0.283182	0.524638
XLOC_006002	LAMP1	chr13:113951468-113977741	64.2307	78.1827	0.283587	0.533447
XLOC_014060	PSMA7	chr20:60711782-60718514	261.197	317.941	0.28362	0.527683
XLOC_008530	FBXL19-AS1	chr16:30930639-30960104	0.28942	0.352312	0.283689	1
XLOC_009335	C17orf89	chr17:79213110-79215098	76.8367	93.5391	0.283774	0.587082
XLOC_003965	CTSD	chr11:1490684-1785501	161.03	196.034	0.283777	0.590233
XLOC_014888	C22orf26	chr22:46446338-46454402	0.38286	0.466135	0.283931	0.952184
XLOC_002843	C10orf114	chr10:21783420-21786213	7.8856	9.60086	0.283943	0.688371
XLOC_022803	ARID3C	chr9:34621454-34628011	0.0840451	0.102335	0.284064	1
XLOC_012306	FAHD2A	chr2:96068447-96078879	23.1306	28.1656	0.284132	0.566136
XLOC_023331	MID1IP1	chrX:38660684-38665783	30.2161	36.7949	0.284189	0.552625
XLOC_010595	SWSAP1	chr19:11485382-11487627	2.40337	2.92681	0.284266	0.764909
XLOC_007640	DPP8	chr15:65737997-65810035	0.800595	0.974998	0.284326	0.73942
XLOC_010611	WDR83	chr19:12777617-12792701	14.4296	17.5757	0.284557	0.933523
XLOC_003169	NSMCE4A	chr10:123716602-123734743	18.475	22.5033	0.284567	0.569671
XLOC_002071	ARPC5	chr1:183595327-183605076	22.4701	27.3724	0.284711	0.530943
XLOC_020627	ARPC1B	chr7:98972297-99006305	152.192	185.396	0.28472	0.783706

XLOC_002745	BUB3	chr10:124913759-124924886	119.193	145.224	0.284981	0.581949
XLOC_018181	VAR52	chr6:30881981-30894235	18.106	22.0637	0.285202	0.534323
XLOC_005605	CCDC59	chr12:82746082-82873016	19.4448	23.6954	0.285225	0.536904
XLOC_011261	C2CD4C	chr19:405442-409170	9.4378	11.501	0.285238	0.606401
XLOC_021568	GINS4	chr8:41386724-41402565	5.15664	6.28415	0.285286	0.58701
XLOC_016165	TMEM175	chr4:926261-952443	7.58361	9.24183	0.285293	0.671261
XLOC_021912	TNFRSF10A	chr8:23048969-23082680	5.75054	7.00857	0.285423	0.648844
XLOC_021103	BAZ1B	chr7:72854727-72936615	8.96574	10.9319	0.286047	0.522524
XLOC_017641	C5orf34	chr5:43486802-43515273	2.57517	3.13997	0.286084	0.669767
XLOC_023513	CSTF2	chrX:100075347-100095923	9.64299	11.7598	0.286312	0.589877
XLOC_023479	TSIX	chrX:73012039-73072588	0.00827232	0.0100891	0.286438	1
XLOC_001996	ILDR2	chr1:166882440-166944561	0.601355	0.733477	0.286535	0.708142
XLOC_009162	TMEM92	chr17:48348766-48358846	0.0892004	0.108802	0.286583	1
XLOC_013916	BCL2L1	chr20:30252260-30310656	129.424	157.876	0.28668	0.514169
XLOC_015945	MBD4	chr3:129149786-129239191	7.9303	9.6751	0.286901	0.746692
XLOC_022804	SIGMAR1	chr9:34634718-34637768	145.303	177.282	0.286974	0.521655
XLOC_012824	DNMT3A	chr2:25455829-25565459	1.06734	1.3025	0.287262	0.797588
XLOC_016146	WDR53	chr3:196281058-196295413	2.74752	3.35297	0.287311	0.732699
XLOC_009975	UNC13D	chr17:73823307-73840798	0.713237	0.870508	0.287477	0.799656
XLOC_010678	MVB12A	chr19:17530911-17536140	64.3276	78.5151	0.287533	0.530062
XLOC_006368	PELI2	chr14:56585092-56768031	0.630607	0.76973	0.287609	0.74277
XLOC_007726	BCL2A1	chr15:80253231-80263643	44.0347	53.7547	0.287751	0.532767
XLOC_006140	NEK3	chr13:52706778-52733996	7.85251	9.58613	0.287794	0.57055
XLOC_008413	EMP2	chr16:10622278-10674539	3.15081	3.84733	0.288132	0.60307
XLOC_010454	DAZAP1	chr19:1407583-1435682	105.293	128.572	0.288172	0.51789
XLOC_001827	S100A11	chr1:152004981-152009511	899.201	1098.13	0.28833	0.535354
XLOC_008398	UBALD1	chr16:4658883-4664927	42.1317	51.4537	0.28837	0.54424
XLOC_016302	ATP10D	chr4:47487409-47595503	0.789538	0.964241	0.288384	0.699944
XLOC_022189	ST3GAL1	chr8:134467090-134584183	5.04954	6.16816	0.28869	0.539675
XLOC_001992	TMCO1	chr1:165693527-165738159	12.9168	15.7799	0.288842	0.521655
XLOC_012695	PSMD1	chr2:231921577-232037540	20.2273	24.7114	0.288868	0.500861
XLOC_014416	RANBP1	chr22:20105023-20114704	146.112	178.509	0.288923	0.524638
XLOC_015565	EMC3	chr3:10005635-10028522	26.578	32.4715	0.288944	0.570316
XLOC_003592	PRDX5	chr11:64085559-64089295	368.078	449.716	0.289002	0.540414
XLOC_023083	TOR2A	chr9:130478357-130497628	39.2934	48.0132	0.289145	0.559351
XLOC_021618	RRS1	chr8:67341262-67342968	39.1676	47.8604	0.289172	0.525673
XLOC_005497	SMUG1	chr12:54574141-54582778	33.6449	41.1133	0.289217	0.665505
XLOC_007485	EMC7	chr15:34376223-34394053	85.2008	104.116	0.289247	0.517848
XLOC_018617	MGC39372	chr6:2854890-2876744	1.95302	2.38661	0.28926	0.795819
XLOC_010676	DDA1	chr19:17420336-17445638	10.9296	13.3563	0.289276	0.565953
XLOC_022452	C9orf3	chr9:97488950-97849500	1.90562	2.32884	0.289355	0.689772
XLOC_002258	B3GALNT2	chr1:235530727-235667781	6.02295	7.36145	0.28952	0.619359
XLOC_005459	KRT81	chr12:52679696-52685299	0.69937	0.854972	0.289821	0.864909
XLOC_003845	UBE4A	chr11:118230295-118289530	5.92112	7.23897	0.289915	0.877654
XLOC_010250	TSHZ1	chr18:72922709-73001905	1.37105	1.67622	0.289923	0.692252
XLOC_016701	SEL1L3	chr4:25749048-25864610	9.58236	11.7154	0.289957	0.52407
XLOC_022263	SMARCA2	chr9:2015341-2193623	4.63839	5.67122	0.290036	0.54457
XLOC_009565	IFT20	chr17:26646120-26662515	25.8515	31.6117	0.290212	0.847391
XLOC_017500	SIMC1	chr5:175665369-175772990	8.90796	10.8933	0.290276	0.592657

XLOC_004699	PEX5	chr12:7341758-7371169	34.1904	41.8128	0.290351	0.516033
XLOC_018738	HCG18	chr6:30201815-30314635	1.38435	1.69323	0.290569	0.884911
XLOC_023091	DPM2	chr9:130697373-130700763	141.444	173.015	0.290665	0.517103
XLOC_004971	HMG2A2	chr12:66151799-66360071	21.488	26.2858	0.290757	0.683647
XLOC_003320	AKIP1	chr11:8932700-8954553	22.6778	27.7471	0.291054	0.552614
XLOC_012770	ADI1	chr2:3501689-3523350	20.2136	24.7383	0.29142	0.54556
XLOC_018438	ARMC2	chr6:109169618-109295352	0.0692598	0.0847659	0.291466	1
XLOC_001500	ELOVL1	chr1:43829067-43833745	91.0517	111.443	0.291553	0.52274
XLOC_023967	CHM	chrX:85116184-85302566	1.95409	2.39241	0.29197	0.670352
XLOC_018464	KPNA5	chr6:117002366-117063030	0.626001	0.7665	0.292121	0.802444
XLOC_022262	DMRT2	chr9:1050345-1057554	2.59134	3.17331	0.292293	0.733299
XLOC_020518	VKORC1L1	chr7:65338256-65419800	9.20878	11.2776	0.292377	0.664657
XLOC_022052	IL7	chr8:79645006-79717758	0.568912	0.696765	0.292467	0.825017
XLOC_006187	UGGT2	chr13:96453835-96705736	2.28492	2.79851	0.292516	0.608336
XLOC_009372	CRK	chr17:1324646-1359561	8.07551	9.89373	0.292961	0.540678
XLOC_003496	ZDHHC5	chr11:57435473-57468659	16.6178	20.3612	0.293088	0.515101
XLOC_006371	AP5M1	chr14:57669193-57756797	3.90856	4.78984	0.293343	0.843686
XLOC_021008	DPY19L1	chr7:34968492-35077653	2.86171	3.50697	0.293348	0.592157
XLOC_001953	PIGM	chr1:159997461-160001783	2.11855	2.59696	0.29375	0.642802
XLOC_012126	SPAST	chr2:32288679-32382706	1.71757	2.10544	0.293753	0.631505
XLOC_017683	TAF9	chr5:68647552-68710630	96.0343	117.723	0.293772	0.569295
XLOC_018278	ZFAND3	chr6:37787306-38122399	21.1053	25.8726	0.293814	0.506829
XLOC_010703	C19orf60	chr19:18699494-18703147	54.9663	67.3864	0.293909	0.555004
XLOC_017298	SLC12A2	chr5:127419482-127525380	1.5692	1.92418	0.294211	0.611005
XLOC_017039	FAT1	chr4:187508936-187644987	1.12824	1.38356	0.294309	0.566107
XLOC_001617	FUBP1	chr1:78413590-78444777	20.0486	24.586	0.294333	0.514736
XLOC_018832	FKBP5	chr6:35541361-35704724	6.67553	8.18758	0.294554	0.528761
XLOC_021172	PON2	chr7:95034173-95064384	33.7015	41.3476	0.294991	0.490568
XLOC_015108	RNF123	chr3:49726949-49761384	8.78673	10.7807	0.295047	0.639634
XLOC_001659	DNTTIP2	chr1:94335013-94344762	18.4052	22.5819	0.295053	0.500835
XLOC_017833	FAM13B	chr5:137225124-137368802	2.48428	3.04816	0.295113	0.587086
XLOC_003168	ATE1	chr10:123502624-123687546	1.17733	1.44473	0.295285	0.754498
XLOC_020619	LMTK2	chr7:97736196-97838944	3.21152	3.94104	0.295323	0.547145
XLOC_002805	PRKCQ	chr10:6469104-6622254	1.26115	1.54775	0.295435	0.719384
XLOC_005151	SETD1B	chr12:122242637-122270562	2.39343	2.93735	0.295437	0.597425
XLOC_004884	HOXC4,HOXC5,H	chr12:54410641-54449814	12.2604	15.0472	0.29548	0.628907
XLOC_006819	GMFB	chr14:54941208-54955744	7.19677	8.83352	0.295639	0.525673
XLOC_013163	TMEM163	chr2:135213329-135476571	0.035005	0.0429706	0.295789	1
XLOC_002113	PTPN7	chr1:202116140-202130716	25.1585	30.8882	0.296008	0.497598
XLOC_014412	COMT	chr22:19863039-20004309	49.8563	61.216	0.296133	0.703945
XLOC_004752	STRAP	chr12:16035287-16056410	78.0624	95.8543	0.296216	0.50844
XLOC_002825	DCLRE1C	chr10:14948870-14996094	2.95854	3.63314	0.296332	0.592157
XLOC_002147	SLC45A3	chr1:205626980-205649630	6.30969	7.74857	0.29636	0.574853
XLOC_012997	LOXL3	chr2:74753774-74784678	5.43889	6.67929	0.296383	0.940297
XLOC_022600	FAM73B	chr9:131799252-131834351	17.3658	21.3267	0.296414	0.509882
XLOC_008613	RRAD	chr16:66955581-66959439	0.123072	0.151156	0.296535	1
XLOC_002936	TIMM23	chr10:51592080-51623386	114.184	140.282	0.296967	0.495945
XLOC_015136	GLYCTK	chr3:52321835-52329272	8.97724	11.0293	0.297001	0.657199
XLOC_003690	FAM86C1	chr11:71498556-71524905	2.86528	3.5206	0.297147	0.699308

XLOC_002135	PPP1R15B	chr1:204372491-204380944	7.45448	9.15944	0.297151	0.505536
XLOC_021459	MSRA	chr8:9911829-10286401	9.7592	11.9919	0.29722	0.60754
XLOC_006184	ABCC4	chr13:95672082-95953687	3.40538	4.18489	0.297373	0.538044
XLOC_012029	TRAPPC12	chr2:3383445-3483342	16.201	19.9097	0.297384	0.539675
XLOC_005143	UNC119B	chr12:121148237-121161443	11.3969	14.0065	0.297451	0.517465
XLOC_000879	FMO4	chr1:171283485-171311223	0.36619	0.450067	0.297549	0.865106
XLOC_009083	AOC3	chr17:41003200-41010140	0.789611	0.970504	0.297591	0.7646
XLOC_003237	TSPAN4	chr11:842823-867116	51.851	63.7323	0.297651	0.518305
XLOC_004341	BRMS1	chr11:66104803-66112582	44.0473	54.1487	0.297873	0.495945
XLOC_001382	SLC9A1	chr1:27425299-27481621	8.71261	10.711	0.297914	0.535571
XLOC_003506	FAM111A	chr11:58910317-58922511	4.27911	5.26228	0.298376	0.563431
XLOC_016087	ALG3	chr3:183948316-183967313	64.2054	78.9688	0.298589	0.53682
XLOC_023102	WDR34	chr9:131314836-131419129	131.945	162.288	0.298625	0.774988
XLOC_010634	IL27RA	chr19:14142551-14163717	9.82891	12.0897	0.298681	0.546263
XLOC_000959	NR5A2	chr1:199996729-200146550	0.0262648	0.0323139	0.29902	1
XLOC_007248	SNX22	chr15:64443915-64455354	0.45847	0.564075	0.299059	0.976381
XLOC_009672	GJD3	chr17:38516904-38520945	3.02224	3.71869	0.299176	0.647903
XLOC_020473	CCM2	chr7:45039344-45116069	17.2816	21.2667	0.299363	0.558053
XLOC_020420	DPY19L2P3	chr7:29685537-29727859	0.226484	0.278735	0.299485	1
XLOC_008020	ATXN2L	chr16:28834368-28848558	50.2474	61.8431	0.299565	0.511483
XLOC_012442	C2orf27A	chr2:132480063-132524977	0.362939	0.446699	0.299577	0.89301
XLOC_011729	ZNF428	chr19:44111375-44124014	11.4653	14.1133	0.299783	0.641994
XLOC_008500	CDIPT	chr16:29869677-29874578	51.2311	63.0664	0.299852	0.513755
XLOC_014572	ATF4	chr22:39916568-39918691	498.645	613.949	0.300104	0.523431
XLOC_013823	IDH3B	chr20:2639040-2644865	46.6743	57.4728	0.300252	0.496696
XLOC_019020	RTN4IP1	chr6:107018902-107077373	2.99554	3.68952	0.300618	0.638542
XLOC_016295	TMEM33	chr4:41937136-41962824	7.87698	9.70654	0.301313	0.500058
XLOC_015745	RRP9	chr3:51967441-51975957	71.8271	88.513	0.301361	0.492699
XLOC_013521	MCM8	chr20:5931297-5975831	1.86607	2.29996	0.301602	0.632134
XLOC_007452	NIPA2	chr15:23004683-23034427	18.8124	23.1882	0.301707	0.491072
XLOC_020431	ADCYAP1R1	chr7:31092075-31151093	0.0358439	0.0441839	0.301792	1
XLOC_007213	AP4E1	chr15:51200868-51298097	1.29012	1.59054	0.302005	0.606595
XLOC_011414	ZGLP1	chr19:10415478-10420233	1.74724	2.15411	0.302013	0.755918
XLOC_012914	RTN4	chr2:55199326-55277734	104.329	128.626	0.302037	0.494479
XLOC_001513	MUTYH	chr1:45794913-45956840	11.7848	14.532	0.302302	0.774876
XLOC_022468	NCBP1	chr9:100263461-100436029	10.9564	13.5117	0.302442	0.597911
XLOC_011339	SAFB2	chr19:5587009-5622938	11.5375	14.2296	0.302567	0.514736
XLOC_012616	CCNYL1	chr2:208576263-208620896	3.33275	4.11047	0.302589	0.650967
XLOC_002736	HTRA1	chr10:124221040-124274424	0.308743	0.380793	0.3026	0.881593
XLOC_014585	L3MBTL2	chr22:41601312-41636935	9.30733	11.4794	0.302608	0.506451
XLOC_021578	SGK196	chr8:42948656-42978323	0.396661	0.489241	0.302638	0.868098
XLOC_022332	RUSC2	chr9:35490006-35563896	8.83832	10.9014	0.302665	0.514418
XLOC_004217	MED19	chr11:57471186-57479673	5.95461	7.34475	0.302706	0.630699
XLOC_023137	REXO4	chr9:136243283-136324508	69.7107	85.9949	0.30287	0.527333
XLOC_000436	CACHD1	chr1:64936475-65158741	0.998527	1.23179	0.302884	0.673917
XLOC_011788	AP2S1	chr19:47341422-47354203	163.542	201.757	0.302958	0.482379
XLOC_009956	NAT9	chr17:72766685-72772470	28.1974	34.7894	0.303083	0.502644
XLOC_006299	REC8	chr14:24641233-24658124	0.484267	0.597694	0.303605	0.981428
XLOC_012547	NUP35	chr2:183989082-184026408	6.16102	7.60513	0.303805	0.598605

XLOC_003335	MICAL2	chr11:12132137-12285331	3.59459	4.43802	0.304088	0.582096
XLOC_015803	ADAMTS9	chr3:64501330-64997143	0.160193	0.197781	0.304091	1
XLOC_014382	SLC19A1	chr21:46934628-46962385	20.6979	25.5547	0.304106	0.519884
XLOC_013652	ARHGAP40	chr20:37230576-37279295	1.50271	1.85534	0.304113	0.718986
XLOC_014031	ATP9A	chr20:50213313-50384908	2.59158	3.20026	0.304359	0.552818
XLOC_000973	ELF3	chr1:201979689-201986315	0.0492862	0.0608654	0.304437	1
XLOC_006911	NOXRED1	chr14:77860364-77889399	0.133373	0.164713	0.304483	1
XLOC_010684	FCHO1	chr19:17858526-17899377	8.64344	10.6777	0.304918	0.548709
XLOC_017524	ZFP2	chr5:178322915-178360210	0.288384	0.356277	0.305008	1
XLOC_014482	ASPHD2	chr22:26825279-26840978	3.73397	4.61331	0.305095	0.617265
XLOC_019042	FYN	chr6:111981534-112194655	6.72164	8.30627	0.305388	0.5266
XLOC_005525	TIMELESS	chr12:56810156-56843200	6.00284	7.41807	0.305398	0.505323
XLOC_005769	MPHOSPH9	chr12:123640945-123706441	1.29738	1.60342	0.305555	0.663013
XLOC_009422	PFN1	chr17:4848944-4852381	1160.66	1434.51	0.305608	0.51789
XLOC_009752	RAMP2-AS1	chr17:40905946-40915060	0.0541337	0.0669087	0.305667	1
XLOC_020332	GET4	chr7:916190-936071	39.1783	48.4258	0.30572	0.488743
XLOC_008268	LINC00311	chr16:85316563-85321685	0.0508053	0.0627986	0.305753	1
XLOC_018816	LINC00336	chr6:33551475-33561115	0.0479068	0.0592214	0.30589	1
XLOC_007970	TMC5	chr16:19422056-19510434	1.44418	1.78528	0.305898	0.669555
XLOC_008355	PKD1	chr16:2097989-2185899	4.54859	5.623	0.305921	0.722089
XLOC_014394	IL17RA	chr22:17565848-17596584	3.39497	4.19723	0.30604	0.52085
XLOC_000746	FLAD1	chr1:154955769-154965587	30.306	37.4684	0.306068	0.489113
XLOC_014676	HIRA	chr22:19318223-19419219	6.43219	7.95332	0.306248	0.5266
XLOC_009021	PSMB3	chr17:36909001-36920478	283.349	350.443	0.306598	0.474512
XLOC_001071	DEGS1	chr1:224370909-224381142	28.3849	35.1075	0.306656	0.480434
XLOC_002335	PRKCQ-AS1	chr10:6622386-6627323	2.35487	2.91284	0.30678	0.67266
XLOC_014818	BAIAP2L2	chr22:38480895-38506676	0.153499	0.189888	0.306922	1
XLOC_008778	PSMB6	chr17:4699438-4701798	230.593	285.268	0.306974	0.475379
XLOC_012658	ZFAND2B	chr2:220071505-220074373	24.0918	29.8047	0.306997	0.519974
XLOC_002670	SFXN2	chr10:104474297-104498946	6.62719	8.19907	0.307063	0.572663
XLOC_003676	MYEOV	chr11:69061621-69064754	9.10725	11.2682	0.307174	0.564644
XLOC_002484	HNRNPH3	chr10:70042416-70102953	37.2135	46.0446	0.307206	0.473045
XLOC_020768	AGBL3	chr7:134671258-134820530	0.0719368	0.0890137	0.307296	1
XLOC_022675	TRAF2	chr9:139780964-139821067	32.4718	40.1818	0.307355	0.480199
XLOC_012346	SLC9A2	chr2:103236165-103327809	0.177235	0.219339	0.307503	1
XLOC_012014	UBE2M	chr19:59067078-59070343	129.324	160.058	0.307598	0.462169
XLOC_000617	TTF2	chr1:117602948-117645491	4.253	5.26399	0.307676	0.513296
XLOC_018071	KDM1B	chr6:18155618-18224084	2.00008	2.47565	0.307746	0.608931
XLOC_004461	C11orf75	chr11:93211638-93276546	13.5861	16.8173	0.307814	0.601696
XLOC_017013	MGC45800	chr4:183060158-183065668	0.683012	0.84552	0.307928	0.738263
XLOC_007487	SLC12A6	chr15:34517244-34630265	1.17954	1.46023	0.307969	0.905257
XLOC_010418	TXNL4A	chr18:77732866-77748532	67.8573	84.0065	0.307997	0.46938
XLOC_002281	HNRNPU	chr1:245013601-245027827	44.4659	55.0526	0.308113	0.48407
XLOC_020980	HOXA7	chr7:27179982-27196296	13.8963	17.2052	0.308138	0.645616
XLOC_000843	UAP1	chr1:162531295-162569633	200.239	247.918	0.30814	0.500234
XLOC_000574	CSF1	chr1:110453232-110473616	2.32483	2.87853	0.308207	0.659482
XLOC_022205	LOC100288181	chr8:143781528-143808391	0.361843	0.448051	0.3083	0.775619
XLOC_011627	ZNF850	chr19:37234379-37263716	1.52868	1.89296	0.308351	0.57283
XLOC_022256	ZNF252P	chr8:146198974-146231432	3.73684	4.62781	0.308512	0.521695

XLOC_006411	ARG2	chr14:68086578-68141602	18.725	23.1927	0.308704	0.749679
XLOC_018715	SCAND3	chr6:28539406-28555112	0.503133	0.623189	0.308729	0.730056
XLOC_014139	C21orf119	chr21:33765441-33766266	7.55461	9.35806	0.308853	0.71402
XLOC_004135	C11orf91	chr11:33719653-33722286	1.82937	2.26617	0.308907	0.845981
XLOC_017465	WWC1	chr5:167719064-167899308	7.50621	9.29877	0.308956	0.470965
XLOC_009654	C17orf98	chr17:36991340-36997642	0.371904	0.460727	0.308983	0.937886
XLOC_003336	MICALCL	chr11:12308446-12380691	0.209912	0.260066	0.309093	1
XLOC_009864	SRSF1	chr17:56078279-56084707	20.5199	25.4228	0.309102	0.490598
XLOC_013068	TXNDC9	chr2:99935486-99952860	3.61642	4.48132	0.309361	0.650967
XLOC_000599	FAM19A3	chr1:113263188-113269856	0.871682	1.08021	0.309438	0.835405
XLOC_017972	MXD3	chr5:176730762-176739292	29.7856	36.9113	0.309447	0.794976
XLOC_021326	SLC35B4	chr7:133974089-134001827	3.19162	3.95533	0.309508	0.50443
XLOC_014797	FOXRED2	chr22:36883232-36903148	8.25841	10.2347	0.309532	0.491486
XLOC_012045	GRHL1	chr2:10091791-10142412	0.877233	1.08725	0.309658	0.722814
XLOC_013299	SATB2	chr2:200134222-200337481	1.37487	1.70426	0.309848	0.642802
XLOC_022907	GOLM1	chr9:88641057-88715116	49.9018	61.8596	0.309906	0.457462
XLOC_016844	NAP1L5	chr4:89513573-89629693	1.04046	1.28981	0.309931	0.88321
XLOC_015377	ATP1B3	chr3:141595469-141645382	69.2292	85.8342	0.310172	0.47107
XLOC_017782	PPIC	chr5:122359077-122372425	12.3831	15.3533	0.310177	0.553492
XLOC_010639	TECR	chr19:14640354-14676792	99.6259	123.534	0.310317	0.463403
XLOC_011402	ZNF121	chr19:9676291-9695209	1.36305	1.69027	0.310414	0.730925
XLOC_003497	CTNND1,TMX2	chr11:57479994-57586652	60.9344	75.5676	0.310509	0.810183
XLOC_021864	FAM167A	chr8:11197145-11324276	1.0625	1.31769	0.310549	0.70088
XLOC_010006	USP36	chr17:76792964-76836969	8.52792	10.5769	0.310644	0.467566
XLOC_012975	EXOC6B	chr2:72406443-73053177	0.340704	0.422563	0.310647	0.82694
XLOC_020651	AGFG2	chr7:100136833-100165843	1.70409	2.11378	0.310821	0.653569
XLOC_007328	IDH3A	chr15:78441718-78462884	14.3764	17.8409	0.311489	0.476106
XLOC_011385	RAB11B-AS1	chr19:8439259-8469317	3.78499	4.69722	0.311514	0.962865
XLOC_017507	UNC5A	chr5:176237559-176326333	1.35422	1.68092	0.311792	0.724796
XLOC_013820	SNRPB	chr20:2442280-2451499	436.925	542.358	0.311862	0.471249
XLOC_004766	SLCO1B1	chr12:21284127-21392730	0.0549905	0.0682614	0.311888	1
XLOC_000616	CD101	chr1:117544371-117579173	0.356699	0.442796	0.311935	0.801516
XLOC_016817	HNRPDL	chr4:83343716-83351378	45.2797	56.2109	0.311985	0.464856
XLOC_024096	PLAC1	chrX:133699872-133792513	0.293214	0.364021	0.312069	1
XLOC_020343	CHST12	chr7:2443194-2474216	9.61926	11.9437	0.31225	0.584417
XLOC_010714	GATAD2A	chr19:19496641-19619741	16.9827	21.0874	0.31232	0.458976
XLOC_024027	IL13RA2	chrX:114238537-114252207	22.765	28.2705	0.312481	0.492924
XLOC_022769	PLAA	chr9:26903367-27062931	7.91777	9.83315	0.312559	0.550522
XLOC_017702	POC5	chr5:74970023-75013313	3.51108	4.36152	0.312916	0.62076
XLOC_006012	ANKRD20A9P	chr13:19408542-19446109	0.0718745	0.0892892	0.313006	1
XLOC_001337	ECE1	chr1:21543739-21672034	13.5389	16.8196	0.313031	0.46587
XLOC_013015	GGCX	chr2:85766100-85788657	5.98145	7.43193	0.313243	0.764456
XLOC_006332	PNN	chr14:39644386-39652422	16.572	20.5925	0.313373	0.459975
XLOC_000646	PDZK1	chr1:145727665-145764206	0.063629	0.0790684	0.313416	1
XLOC_017964	CLTB	chr5:175819455-175843570	120.432	149.664	0.313505	0.450304
XLOC_001463	MTF1	chr1:38275238-38325292	1.04748	1.30175	0.313533	0.599713
XLOC_000501	ZNF326	chr1:90460677-90494094	5.28332	6.56656	0.313694	0.525673
XLOC_001558	TMEM48	chr1:54231133-54304225	5.19611	6.45844	0.313755	0.50153
XLOC_012919	PNPT1	chr2:55861197-55921045	8.45955	10.5158	0.313909	0.468062

XLOC_007828	PIGQ	chr16:619967-634136	34.8356	43.3071	0.314043	0.452786
XLOC_004330	CFL1	chr11:65622284-65625804	627.808	780.613	0.314284	0.473185
XLOC_008150	USB1	chr16:58035276-58055527	29.6695	36.895	0.314447	0.461367
XLOC_010690	KCNN1	chr19:18062110-18109930	0.120793	0.150215	0.314493	1
XLOC_002802	IL15RA	chr10:5994333-6020150	13.966	17.3695	0.314634	0.548453
XLOC_016411	CDS1	chr4:85504056-85572493	1.5686	1.95089	0.314654	0.618639
XLOC_005985	ABHD13	chr13:108870762-108886603	1.52334	1.89481	0.314811	0.582464
XLOC_024025	AMOT	chrX:112018104-112084043	0.200181	0.249023	0.314969	1
XLOC_004103	UEVLD	chr11:18552949-18610293	1.04685	1.3023	0.314998	0.729672
XLOC_011643	YIF1B	chr19:38794199-38806606	21.2704	26.4611	0.315022	0.795382
XLOC_002945	ZWINT	chr10:58117198-58121034	26.8785	33.4424	0.315229	0.472657
XLOC_022338	RGP1	chr9:35749276-35754274	1.17711	1.46479	0.315443	0.809988
XLOC_017563	IRX2	chr5:2746278-2751769	7.17649	8.93102	0.315546	0.613246
XLOC_004673	TAPBPL	chr12:6561176-6579843	1.4172	1.7637	0.31556	0.882649
XLOC_017469	SPDL1	chr5:169010637-169031781	2.70309	3.3641	0.315612	0.61305
XLOC_012367	SOWAHC	chr2:110371910-110376564	7.35652	9.15645	0.315765	0.492502
XLOC_001689	TAF13	chr1:109606997-109618624	11.8666	14.771	0.315857	0.648271
XLOC_001361	STPG1	chr1:24645811-24741587	5.40713	6.73128	0.316018	0.569689
XLOC_015525	TMEM44-AS1	chr3:194304996-194354150	2.00923	2.50142	0.316102	0.904108
XLOC_009105	GRN	chr17:42422490-42430470	130.653	162.666	0.31617	0.461842
XLOC_007939	CLEC16A	chr16:11038344-11276046	2.35912	2.93718	0.316182	0.550522
XLOC_006265	SLC39A2	chr14:21467413-21470034	0.0371951	0.0463107	0.316233	1
XLOC_014743	TTC28	chr22:28315363-29075853	0.442847	0.551414	0.316329	0.840893
XLOC_006695	LINC00641	chr14:21668237-21675059	0.704455	0.877176	0.316359	0.786254
XLOC_016176	C4orf48	chr4:2043719-2045697	53.5469	66.6926	0.316724	0.663286
XLOC_009847	CACNA1G-AS1	chr17:48633567-48704832	0.0545087	0.0679011	0.316948	1
XLOC_012586	CASP10	chr2:202047620-202094129	1.0057	1.25307	0.317272	0.629512
XLOC_014306	GART	chr21:34876237-34915198	32.8001	40.8745	0.317498	0.479208
XLOC_005439	NCKAP5L	chr12:50184928-50222208	5.58237	6.957	0.317587	0.509766
XLOC_014547	NOL12	chr22:38082343-38089485	6.10809	7.61247	0.317643	0.545547
XLOC_013570	PYGB	chr20:25228705-25371618	21.4198	26.6977	0.317769	0.664657
XLOC_018658	TPMT	chr6:18128544-18155374	4.60496	5.73971	0.317789	0.521714
XLOC_015160	ABHD6	chr3:58223258-58280461	5.03416	6.27592	0.318078	0.5622
XLOC_006987	PPP1R13B	chr14:104200087-104313927	2.20017	2.74309	0.318191	0.592157
XLOC_002810	SFTA1P	chr10:10826401-10836877	353.05	440.344	0.318758	0.457572
XLOC_021346	PARP12	chr7:139723548-139763521	9.50593	11.8568	0.318812	0.48457
XLOC_016259	PACRGL	chr4:20702035-20729980	3.01222	3.75729	0.318866	0.649667
XLOC_010480	NCLN	chr19:3185874-3209573	48.1944	60.1201	0.318982	0.444145
XLOC_018306	RRP36	chr6:42989384-42997337	26.0719	32.5239	0.319003	0.480807
XLOC_016284	KLB	chr4:39408472-39453153	0.0383348	0.0478219	0.319018	1
XLOC_010870	EGLN2,MIA,RAB4	chr19:41281081-41314346	45.6582	56.9581	0.319028	0.469232
XLOC_007488	NOP10	chr15:34633916-34635362	474.52	591.996	0.31912	0.441656
XLOC_001228	WRAP73	chr1:3547330-3566671	24.848	31.0027	0.319263	0.489185
XLOC_003426	SLC35C1	chr11:45825622-45834567	9.84052	12.2785	0.319333	0.49034
XLOC_004988	KCNMB4	chr12:70760061-70828072	0.00838348	0.0104621	0.319552	1
XLOC_016161	PIGG	chr4:419223-533320	5.51812	6.88632	0.319556	0.681951
XLOC_011836	TEAD2	chr19:49838676-49865714	9.15552	11.4262	0.319634	0.524638
XLOC_019113	LOC100507462	chr6:139046347-139114456	0.0920183	0.114846	0.319703	1
XLOC_018027	NQO2	chr6:3000066-3019994	98.2015	122.576	0.31986	0.442213

XLOC_007894	FLYWCH2	chr16:2933195-2949383	38.4907	48.0445	0.319861	0.476694
XLOC_009898	CYB561	chr17:61509664-61523722	13.0605	16.3031	0.319941	0.458976
XLOC_018485	NCOA7	chr6:126102306-126253176	3.32276	4.14818	0.320095	0.554074
XLOC_019006	FAXC	chr6:99720792-99797531	0.442594	0.552553	0.320129	0.659717
XLOC_008641	CHTF8	chr16:69139466-69166493	35.0588	43.7741	0.320299	0.473464
XLOC_015362	MRAS	chr3:138066489-138124377	1.5472	1.93259	0.320875	0.633194
XLOC_002852	PRTFDC1	chr10:25137553-25241533	5.94212	7.42289	0.321004	0.552737
XLOC_002392	PDSS1	chr10:26986594-27150016	6.80627	8.50322	0.321144	0.864982
XLOC_020680	LRRC17	chr7:102453307-102715288	0.0467705	0.0584332	0.321189	1
XLOC_007958	NDE1	chr16:15737123-15950887	5.34341	6.67643	0.321316	0.568199
XLOC_000662	FAM91A2,LINC00	chr1:149576261-149672733	4.27832	5.34619	0.321468	0.709143
XLOC_023195	FAM166A	chr9:140135710-140142222	8.04219	10.0498	0.321512	0.978818
XLOC_003030	LOC728190	chr10:88998423-89103331	19.3056	24.1265	0.3216	0.622994
XLOC_023880	HSD17B10	chrX:53458205-53461323	117.24	146.522	0.321649	0.427664
XLOC_013919	PDRG1	chr20:30532757-30539883	26.9745	33.7169	0.321875	0.469274
XLOC_020642	MBLAC1	chr7:99724319-99726121	3.2504	4.06313	0.321972	0.739517
XLOC_011475	C19orf57	chr19:13993167-14016909	0.589457	0.736961	0.322201	0.809839
XLOC_014849	PHF5A	chr22:41855720-41864708	62.9554	78.7111	0.322237	0.438793
XLOC_005037	AMDHD1	chr12:96337070-96362370	0.438841	0.548814	0.322619	0.817046
XLOC_001268	MTHFR	chr1:11845786-11907840	0.912708	1.14148	0.322677	0.828851
XLOC_013540	MGME1	chr20:17949761-17971762	11.0604	13.8341	0.322824	0.47931
XLOC_000316	CTPS1	chr1:41445006-41478235	20.4141	25.5338	0.322843	0.447828
XLOC_002537	EIF5AL1	chr10:81272356-81276192	3.26877	4.08864	0.322872	0.530459
XLOC_011046	SIGLEC16	chr19:50472911-50479076	0.23195	0.290131	0.322887	1
XLOC_002044	KIAA0040	chr1:175126122-175162229	1.619	2.02537	0.323084	0.604499
XLOC_015886	B4GALT4	chr3:118930588-118959752	4.83472	6.0497	0.323343	0.539141
XLOC_003673	GAL	chr11:68451982-68458643	133.132	166.612	0.323635	0.444145
XLOC_007798	PRKXP1	chr15:101087956-101099488	0.122356	0.153144	0.323805	1
XLOC_004161	HARBI1	chr11:46624855-46638777	1.45457	1.82062	0.323839	0.748812
XLOC_000016	B3GALT6	chr1:1167628-1170420	12.9876	16.2578	0.323996	0.498357
XLOC_001676	EXTL2	chr1:101337927-101360735	5.91025	7.39912	0.324135	0.486248
XLOC_006303	LTB4R,LTB4R2	chr14:24774392-24787242	3.94776	4.94283	0.324303	0.756508
XLOC_015510	FLJ42393	chr3:187868993-188608460	0.0440771	0.0551932	0.324461	1
XLOC_022451	HIATL1	chr9:97136832-97223202	16.6052	20.795	0.324603	0.442213
XLOC_009225	TACO1	chr17:61678230-61685725	16.0311	20.0782	0.324755	0.478726
XLOC_006491	SNORA11B	chr14:91580356-91691703	5.94076	7.44054	0.32476	0.961459
XLOC_018660	MBOAT1	chr6:20099915-20212695	1.22807	1.53823	0.324886	0.654907
XLOC_012498	BBS5	chr2:170336005-170363165	0.645421	0.808451	0.32492	0.77663
XLOC_017977	DBN1	chr5:176883613-176900694	112.035	140.34	0.32498	0.424325
XLOC_010453	NDUFS7	chr19:1383882-1395588	157.029	196.727	0.325163	0.42844
XLOC_014917	CNTN4	chr3:2140549-3099645	0.00639573	0.00801299	0.325232	1
XLOC_000565	CYB561D1	chr1:110036657-110043063	3.55103	4.44961	0.325441	0.527665
XLOC_008766	CTNS	chr17:3539761-3599698	4.78889	6.00221	0.325803	0.897319
XLOC_007851	TELO2	chr16:1543351-1662109	25.2248	31.6177	0.325888	0.600595
XLOC_016473	ANK2	chr4:113739238-114304896	0.356923	0.447413	0.325992	0.698259
XLOC_012950	WDR92	chr2:68357280-68384692	2.779	3.48399	0.326173	0.616881
XLOC_003235	EFCAB4A	chr11:827584-831991	6.02079	7.54872	0.326281	0.629512
XLOC_008368	PRSS27	chr16:2762422-2770552	1.32491	1.66114	0.326282	0.813283
XLOC_018496	AKAP7	chr6:131456825-131604675	0.697161	0.874189	0.326453	0.748812

XLOC_002894	ZNF239	chr10:44051792-44070066	2.42182	3.03737	0.326731	0.641512
XLOC_006432	PAPLN	chr14:73704204-73741347	0.130122	0.163202	0.326798	1
XLOC_020713	NAA38	chr7:117824085-117844093	3.91801	4.91463	0.32696	0.423172
XLOC_015887	TMEM39A	chr3:119147806-119182529	3.55795	4.46311	0.327001	0.490815
XLOC_018756	ATP6V1G2,DDX3	chr6:31496738-31514625	156.551	196.415	0.327275	0.442187
XLOC_000406	TCEANC2	chr1:54519273-54565416	0.743851	0.933372	0.327439	0.688656
XLOC_006016	PSPC1	chr13:20248891-20357159	18.8721	23.6819	0.327534	0.450707
XLOC_013123	C2orf76	chr2:120060019-120124258	1.20144	1.50765	0.327538	0.802416
XLOC_003055	FRA10AC1	chr10:95427639-95462329	5.4961	6.89752	0.327669	0.473081
XLOC_022584	COQ4	chr9:131084790-131096351	78.0857	98.0018	0.327749	0.429845
XLOC_007473	TJP1	chr15:29992356-30114706	4.76563	5.98116	0.327759	0.437419
XLOC_002490	DDX21	chr10:70715878-70744825	22.9714	28.8306	0.327762	0.423117
XLOC_011614	ALKBH6	chr19:36500021-36505141	16.3638	20.539	0.327865	0.573142
XLOC_014885	SMC1B	chr22:45739944-45809500	0.00776831	0.00975274	0.328207	1
XLOC_020708	MET	chr7:116312458-116438440	7.02557	8.8214	0.328391	0.419676
XLOC_003121	CALHM2	chr10:105206542-105212162	0.379732	0.476799	0.3284	0.844936
XLOC_008684	CHST5	chr16:75562427-75569068	0.371634	0.466653	0.328468	0.831535
XLOC_022197	AGO2	chr8:141541263-141645646	17.1822	21.5765	0.328551	0.42844
XLOC_010700	SSBP4	chr19:18530145-18549111	63.3318	79.529	0.328551	0.477247
XLOC_024070	AIFM1	chrX:129263337-129299861	33.7114	42.3344	0.328596	0.454341
XLOC_016307	OCIAD1	chr4:48833059-48863834	41.4292	52.0346	0.328821	0.432271
XLOC_012647	PLCD4	chr2:219472487-219501909	0.386454	0.485393	0.328855	0.790595
XLOC_015153	CCDC66	chr3:56591183-56717135	1.52359	1.91376	0.328934	0.882208
XLOC_002210	TMEM63A	chr1:225997796-226070420	4.97313	6.24782	0.329197	0.69939
XLOC_000300	BMP8A	chr1:39957317-40025370	0.252022	0.316628	0.329243	1
XLOC_001739	CD58	chr1:117057155-117113715	7.85369	9.86709	0.329253	0.555003
XLOC_017633	OXCT1	chr5:41730166-41870791	19.3649	24.3297	0.329275	0.421289
XLOC_004321	SYVN1	chr11:64888098-64902003	15.0325	18.8865	0.329277	0.963969
XLOC_005440	BCDIN3D	chr12:50222325-50236912	2.19325	2.75558	0.329286	0.625524
XLOC_016409	MRPS18C	chr4:84377117-84406290	17.4663	21.9448	0.329302	0.654938
XLOC_002380	MSRB2	chr10:23384426-23410942	9.57194	12.0275	0.329447	0.500835
XLOC_006709	PRMT5	chr14:23389732-23398661	71.2195	89.4949	0.329534	0.419078
XLOC_015659	TMEM158	chr3:45265955-45267814	28.6712	36.0352	0.329803	0.498357
XLOC_002762	GLRX3	chr10:131934638-131978646	115.351	144.997	0.32999	0.420092
XLOC_021784	BREA2	chr8:144779284-144780583	0.532683	0.669659	0.330151	0.881218
XLOC_007610	BNIP2	chr15:59955061-59981642	11.5963	14.5796	0.330293	0.438842
XLOC_010325	GAREM	chr18:29843483-30050447	0.343091	0.431419	0.330496	0.722814
XLOC_005850	RFC3	chr13:34392205-34540695	6.20196	7.80193	0.331107	0.516033
XLOC_023621	LINC00629	chrX:133684053-133694428	0.0607643	0.0764566	0.331418	1
XLOC_020556	GTF2IRD2B	chr7:74508346-74565623	0.0921486	0.115947	0.331433	1
XLOC_004178	AGBL2	chr11:47681142-47736928	0.0553404	0.0696337	0.331454	1
XLOC_004403	C2CD3	chr11:73745479-73882064	0.270335	0.340182	0.331559	1
XLOC_011303	SGTA	chr19:2754711-2783354	66.4772	83.6612	0.331699	0.412911
XLOC_014856	CENPM	chr22:42334740-42343148	29.3944	36.9946	0.331773	0.489843
XLOC_006733	TM9SF1	chr14:24658352-24664882	17.8821	22.5059	0.331787	0.444145
XLOC_006507	PPP4R4	chr14:94640648-94746072	0.684008	0.860974	0.331957	0.87763
XLOC_000294	UTP11L	chr1:38478383-38490497	21.6383	27.2374	0.332001	0.426592
XLOC_005430	RHEBL1	chr12:49458467-49463775	9.99846	12.5864	0.332094	0.54523
XLOC_002477	NRBF2	chr10:64893006-64914786	6.73999	8.48533	0.332225	0.513296

XLOC_019004	MMS22L	chr6:97372495-97862283	1.00343	1.26361	0.332616	0.550522
XLOC_015140	STAB1	chr3:52529355-52569093	0.00986274	0.0124202	0.332625	1
XLOC_005759	CLIP1	chr12:122755980-122907116	5.04793	6.35702	0.332659	0.432152
XLOC_012665	GMPPA	chr2:220363586-220371718	27.5264	34.6665	0.332726	0.434459
XLOC_009529	RASD1	chr17:17397752-17399709	0.120695	0.152033	0.333024	1
XLOC_016198	EVC	chr4:5712923-5816031	5.91617	7.45241	0.333043	0.438793
XLOC_008993	SLFN5	chr17:33570085-33594761	1.15995	1.46168	0.333568	0.61081
XLOC_003343	PDE3B	chr11:14665268-14893604	0.98271	1.23834	0.33357	0.608336
XLOC_016410	AGPAT9	chr4:84457066-84527027	5.49828	6.92895	0.333656	0.494703
XLOC_006731	PSME2	chr14:24612573-24615855	102.59	129.284	0.333659	0.407872
XLOC_018853	KCNK5	chr6:39156746-39197251	4.5046	5.67758	0.333879	0.512407
XLOC_000034	RER1	chr1:2323213-2344010	36.2188	45.6519	0.333936	0.496751
XLOC_007889	KCTD5	chr16:2732494-2759031	28.0822	35.3967	0.333956	0.413848
XLOC_014327	PSMG1	chr21:40547371-40555440	67.6164	85.2296	0.333981	0.418773
XLOC_009079	WNK4	chr17:40932648-40949084	1.09925	1.38571	0.3341	0.693079
XLOC_011546	MEF2B,MEF2BNE	chr19:19256375-19314238	12.66	15.9604	0.334223	0.904022
XLOC_010523	CRB3	chr19:6464259-6481798	1.11861	1.41041	0.334412	0.897441
XLOC_013829	DDRGK1	chr20:3171011-3185295	83.1352	104.828	0.334498	0.409021
XLOC_011258	PPAP2C	chr19:281043-291435	77.6746	97.9442	0.334517	0.414159
XLOC_009072	COASY	chr17:40714091-40718299	47.1932	59.5123	0.334609	0.41867
XLOC_019197	THBS2	chr6:169615874-169654137	0.420328	0.530063	0.334649	0.732699
XLOC_000425	L1TD1	chr1:62660473-62678001	0.0144453	0.0182169	0.334676	1
XLOC_015823	ZNF717	chr3:75786028-75834255	0.14079	0.177566	0.334811	1
XLOC_010537	PET100	chr19:7694670-7698634	139.734	176.242	0.334875	0.452338
XLOC_000610	SLC22A15	chr1:116519118-116612675	1.09452	1.38064	0.335036	0.626866
XLOC_003234	PNPLA2	chr11:818900-825571	68.17	86.0036	0.335259	0.393192
XLOC_005638	HAL	chr12:96366439-96390143	0.0658425	0.083071	0.335326	1
XLOC_010929	TOMM40	chr19:45394476-45406946	108.368	136.739	0.33548	0.408062
XLOC_002550	GHITM	chr10:85899184-85913311	84.3844	106.49	0.335668	0.426107
XLOC_016695	PPARGC1A	chr4:23793643-23891700	0.00593695	0.00749337	0.335892	1
XLOC_014003	PLTP	chr20:44517110-44541003	8.46749	10.6883	0.336024	0.897332
XLOC_004768	PYROXD1	chr12:21590537-21654603	3.00195	3.78952	0.336114	0.757598
XLOC_003590	TEX40	chr11:64067862-64072239	0.069413	0.087625	0.336137	1
XLOC_020792	SSBP1	chr7:141438120-141450288	248.058	313.176	0.336298	0.408001
XLOC_013227	LOC440925	chr2:171568948-171571077	0.103247	0.130393	0.336769	1
XLOC_011192	ZNF580	chr19:56152391-56154836	82.3649	104.051	0.337188	0.434104
XLOC_013676	YWHAB	chr20:43514343-43537161	48.8928	61.7716	0.337322	0.399313
XLOC_011874	C19orf48	chr19:51300960-51307974	348.322	440.119	0.337474	0.421947
XLOC_015699	SLC25A20	chr3:48894355-48936426	3.59529	4.54335	0.337649	0.585208
XLOC_023339	MAOA	chrX:43514154-43606071	0.0152389	0.0192576	0.337674	1
XLOC_005355	CASC1	chr12:25205180-25348094	0.0128617	0.0162547	0.337771	1
XLOC_018923	TRAM2	chr6:52362199-52441862	2.65147	3.35149	0.33801	0.49037
XLOC_004144	COMMD9	chr11:36293841-36310999	5.6601	7.15451	0.338025	0.468062
XLOC_021651	CHMP4C	chr8:82644687-82671748	45.3146	57.2837	0.338149	0.415024
XLOC_000909	TDRD5	chr1:179560747-179660407	0.400889	0.506849	0.338352	0.774876
XLOC_011603	LOC100506469	chr19:36024313-36038429	6.53096	8.25769	0.338443	0.937886
XLOC_013074	SNORD89	chr2:101889397-101889511	12.7871	16.1704	0.338665	0.961132
XLOC_003894	NRGN	chr11:124609828-124617102	13.3313	16.8593	0.338731	0.591586
XLOC_001374	UBXN11	chr1:26608772-26647014	12.0514	15.2432	0.338967	0.524958

XLOC_010271	METTL4	chr18:2537523-2571489	1.68646	2.13339	0.339146	0.579868
XLOC_005516	WIBG	chr12:56295196-56321697	17.2889	21.8731	0.339311	0.489185
XLOC_015729	IFRD2	chr3:50316517-50330026	77.4101	97.944	0.339435	0.384626
XLOC_013318	RAPH1	chr2:204298538-204400058	0.692	0.875632	0.339553	0.569918
XLOC_008115	OGFOD1	chr16:56485423-56511407	14.4917	18.3395	0.339725	0.415082
XLOC_009296	UBALD2	chr17:74261285-74267379	82.7071	104.671	0.339773	0.392176
XLOC_002838	PTPLA	chr10:17631957-17659373	3.96825	5.02279	0.339984	0.639952
XLOC_005232	C12orf4	chr12:4596900-4647637	1.80244	2.28147	0.340011	0.560049
XLOC_022912	LOC440173	chr9:89623365-89657041	0.0349997	0.0443016	0.340014	1
XLOC_008520	ZNF747	chr16:30542778-30546194	6.10901	7.73578	0.340608	0.570328
XLOC_017515	PRR7	chr5:176853686-176883287	38.5254	48.7887	0.340736	0.800869
XLOC_007984	OTOA	chr16:21689834-21772050	0.0529171	0.0670157	0.340765	1
XLOC_000358	UROD	chr1:45477804-45481341	135.047	171.048	0.340934	0.403093
XLOC_016212	AFAP1-AS1	chr4:7755816-7941653	0.00576045	0.00729641	0.341004	1
XLOC_004792	DDX11	chr12:31173696-31257725	10.6218	13.4542	0.341028	0.436516
XLOC_012534	HNRNPA3	chr2:178077421-178088685	42.2843	53.5688	0.341269	0.390067
XLOC_013793	UCKL1-AS1	chr20:62571181-62601223	0.161092	0.204086	0.341294	1
XLOC_006127	DLEU2	chr13:50556687-50699677	0.133641	0.169319	0.341376	1
XLOC_013020	LOC90784	chr2:86247338-86250991	2.80909	3.55939	0.34153	0.518305
XLOC_015035	EIF1B	chr3:39851302-40353915	55.8817	70.8153	0.341685	0.404058
XLOC_002175	TMEM206	chr1:212537815-212588267	10.4976	13.3031	0.341704	0.454452
XLOC_006210	KDELC1	chr13:103436630-103528351	4.45268	5.64409	0.342065	0.877848
XLOC_011439	ELOF1	chr19:11663857-11670051	101.387	128.552	0.342484	0.387199
XLOC_015944	EFCAB12	chr3:129120163-129147494	0.109622	0.138996	0.342508	1
XLOC_009808	COPZ2	chr17:46103532-46115152	6.15771	7.808	0.342558	0.638482
XLOC_009916	DDX5	chr17:62494373-62502484	72.8765	92.4305	0.342916	0.3917
XLOC_005455	GALNT6	chr12:51745832-51909547	14.284	18.121	0.343271	0.482379
XLOC_009196	BZRAP1-AS1	chr17:56378587-56494931	0.0561387	0.0712225	0.343339	1
XLOC_021960	STAR	chr8:38000217-38008600	0.0709423	0.0900141	0.343504	1
XLOC_009136	KPNB1	chr17:45727203-45761004	38.7121	49.1249	0.343671	0.390338
XLOC_006896	RPS6KL1	chr14:75370656-75389145	1.37249	1.74176	0.343755	0.582464
XLOC_004429	ALG8	chr11:77726760-77850699	23.6029	29.9569	0.34392	0.694097
XLOC_013486	SIRPA	chr20:1874812-1920540	4.03458	5.12077	0.343943	0.490815
XLOC_020675	LRWD1	chr7:102105389-102119381	31.597	40.1106	0.344198	0.724534
XLOC_022348	MELK	chr9:36572858-36677680	9.5765	12.1586	0.344405	0.436615
XLOC_012199	COMMD1	chr2:62132802-62363205	20.4636	25.9813	0.344413	0.499306
XLOC_018138	ZSCAN16	chr6:28092386-28097856	4.15472	5.27548	0.344552	0.592657
XLOC_023089	ST6GALNAC4	chr9:130670164-130679305	257.184	326.564	0.344563	0.386855
XLOC_014825	DMC1	chr22:38914953-38966189	0.0372983	0.0473651	0.344716	1
XLOC_014510	TUG1	chr22:31365633-31375380	7.90298	10.0374	0.344912	0.403093
XLOC_022103	C8orf37	chr8:96257140-96822371	0.576364	0.732152	0.345163	0.720235
XLOC_013313	MPP4	chr2:202509596-202563417	0.0137368	0.0174549	0.345587	1
XLOC_022354	TRMT10B	chr9:37753801-37778969	2.45939	3.12553	0.345799	0.599775
XLOC_014940	PRRT3-AS1	chr3:9987225-9996471	4.95636	6.29912	0.345869	0.820487
XLOC_006854	SPTB	chr14:65213000-65289866	0.5366	0.682019	0.345967	0.646705
XLOC_023372	SUV39H1	chrX:48555130-48567406	8.80396	11.1904	0.346035	0.455231
XLOC_019099	MTFR2	chr6:136552167-136571449	9.41909	11.9733	0.346156	0.477384
XLOC_022696	MRPL41	chr9:140446308-140447007	530.325	674.141	0.346173	0.373268
XLOC_016813	ANTXR2	chr4:80822770-80994477	12.9851	16.5065	0.346183	0.372106

XLOC_014850	POLR3H	chr22:41865128-41940479	19.5172	24.8106	0.346209	0.593645
XLOC_002194	AURKAPS1	chr1:220321609-220445843	0.653077	0.830438	0.34662	0.953159
XLOC_008625	ATP6V0D1	chr16:67471916-67515089	59.7838	76.0259	0.346735	0.377663
XLOC_018091	TRIM38	chr6:25962916-25987557	1.72533	2.19434	0.346916	0.502187
XLOC_012536	RBM45	chr2:178977181-178994382	4.7927	6.09694	0.347246	0.539268
XLOC_022630	GTF3C5	chr9:135906061-135933890	88.0271	111.991	0.34736	0.3699
XLOC_007900	TNFRSF12A	chr16:3070312-3072383	502.97	639.916	0.347409	0.394733
XLOC_023794	APOO	chrX:23851464-23926057	11.8773	15.1125	0.347528	0.499306
XLOC_001296	EPHA2	chr1:16450831-16482582	75.9558	96.6569	0.347713	0.38271
XLOC_013407	SLC16A14	chr2:230899689-230933715	2.47211	3.14587	0.347719	0.50443
XLOC_000658	LOC645166	chr1:148928285-148953054	4.38421	5.57998	0.347942	0.732699
XLOC_016394	MRPL1	chr4:78783804-78873944	8.91597	11.3482	0.348	0.482717
XLOC_017484	RPL26L1	chr5:172386438-172396774	76.8073	97.7649	0.348072	0.389453
XLOC_003901	STT3A	chr11:125462738-125491280	36.8491	46.9053	0.348123	0.372956
XLOC_016077	DNAJC19	chr3:180701497-180707562	14.1837	18.0548	0.348146	0.433511
XLOC_010015	CBX4	chr17:77806954-77813213	19.9035	25.3358	0.348153	0.408062
XLOC_018379	DDX43	chr6:74104284-74127289	0.0247194	0.0314666	0.348178	1
XLOC_005612	C12orf50	chr12:88373815-88423176	0.016645	0.0211892	0.348239	1
XLOC_010044	ALYREF	chr17:79845710-79849462	116.08	147.773	0.348265	0.383618
XLOC_006850	SGPP1	chr14:64150934-64194756	3.58494	4.56379	0.348281	0.504142
XLOC_011970	UBE2S	chr19:55912649-55919325	519.188	661.013	0.348421	0.393462
XLOC_018585	IGF2R	chr6:160390130-160527583	4.28644	5.45784	0.348549	0.392176
XLOC_003675	TPCN2	chr11:68816349-68858072	3.18535	4.05748	0.349135	0.495723
XLOC_006513	GLRX5	chr14:96001322-96011055	46.3952	59.1103	0.349433	0.392448
XLOC_013417	LINC00471	chr2:232373136-232379050	0.159728	0.203516	0.349528	1
XLOC_000675	PRPF3	chr1:150293927-150325704	8.4224	10.734	0.349879	0.438502
XLOC_006472	ADCK1	chr14:78266425-78400297	3.78077	4.81853	0.349911	0.586149
XLOC_007802	SNRPA1	chr15:101821714-101835460	43.0126	54.8224	0.350006	0.384173
XLOC_023922	BCYRN1	chrX:70430034-70948962	22.534	28.7239	0.350149	0.970931
XLOC_004512	SLC35F2	chr11:107661716-107729914	21.32	27.1795	0.350307	0.394465
XLOC_010711	RFXANK	chr19:19256375-19314238	40.2141	51.2679	0.350354	0.654164
XLOC_015023	XYLB	chr3:38388250-38456467	1.67797	2.13926	0.350397	0.569689
XLOC_008301	LOC100128881	chr16:89773540-89883065	18.9655	24.1808	0.350483	0.762566
XLOC_002098	ZNF281	chr1:200375419-200379166	1.7907	2.28325	0.350568	0.572991
XLOC_000983	ADORA1	chr1:203096835-203136533	1.88734	2.40667	0.350685	0.652583
XLOC_000539	SLC30A7	chr1:101361631-101447311	2.14758	2.73873	0.350792	0.451089
XLOC_007881	C16orf59	chr16:2510114-2514964	7.79493	9.94984	0.352137	0.547473
XLOC_022510	FAM225A	chr9:115875175-115882126	0.773406	0.987225	0.352154	0.637294
XLOC_021790	GPAA1	chr8:145137523-145141119	126.29	161.207	0.352169	0.369226
XLOC_005468	KRT5	chr12:52908358-52914243	0.0502227	0.0641162	0.352349	1
XLOC_010998	SPACA4	chr19:49103856-49116694	0.0831466	0.106154	0.352425	1
XLOC_002074	EDEM3	chr1:184659624-184724041	0.755335	0.964387	0.352496	0.594349
XLOC_016423	PKD2	chr4:88928798-88998931	1.99369	2.54567	0.352604	0.502308
XLOC_015104	TCTA	chr3:49449638-49453909	8.36605	10.6827	0.352661	0.458372
XLOC_016892	ELOVL6	chr4:110970228-111119820	7.8664	10.0454	0.352755	0.384312
XLOC_015963	ANAPC13	chr3:134196545-134293855	32.2847	41.2325	0.352933	0.447327
XLOC_021536	LEPROTL1	chr8:29920257-30108213	10.2796	13.1296	0.353044	0.824372
XLOC_003668	NDUFS8	chr11:67798083-67804114	169.908	217.11	0.353673	0.357424
XLOC_010308	NPC1	chr18:21083433-21166581	9.74831	12.4596	0.354036	0.513296

XLOC_003621	PCNXL3	chr11:65383782-65404910	7.32479	9.36295	0.354176	0.392721
XLOC_012077	CENPO	chr2:25013135-25142055	3.12996	4.00099	0.354214	0.840418
XLOC_008238	MON1B,SYCE1L	chr16:77224835-77246976	8.71528	11.1407	0.354223	0.424569
XLOC_015071	SACM1L	chr3:45730753-45786900	4.88504	6.24701	0.354796	0.435859
XLOC_018699	HIST1H2BL	chr6:27775256-27775709	1.45677	1.86369	0.35539	0.883608
XLOC_009890	SCARNA20	chr17:58254690-58469586	3.0634	3.91922	0.355435	0.943024
XLOC_017321	TCF7	chr5:133450401-133483920	5.35864	6.85598	0.355498	0.464963
XLOC_014553	MICALL1	chr22:38302154-38338465	21.091	26.9877	0.355679	0.360949
XLOC_007801	VIMP	chr15:101811213-101817700	39.3454	50.3459	0.35568	0.369226
XLOC_008734	VPS9D1	chr16:89773540-89883065	1.87135	2.39496	0.355922	0.937188
XLOC_007925	LOC440335	chr16:4827614-4846492	0.101005	0.129334	0.356678	1
XLOC_015766	SFMBT1	chr3:52937582-53080089	2.64763	3.39031	0.356711	0.473572
XLOC_015255	C3orf52	chr3:111805181-111837073	5.85746	7.50126	0.356859	0.497625
XLOC_006802	CDKL1	chr14:50796719-50862617	0.840441	1.07634	0.35692	0.783706
XLOC_023382	PPP1R3F	chrX:49126305-49144555	0.547211	0.700925	0.357163	0.756508
XLOC_012215	PNO1	chr2:68385004-68403094	13.9001	17.8079	0.357422	0.409459
XLOC_009339	CCDC137	chr17:79633760-79640936	24.8889	31.8879	0.357505	0.370689
XLOC_012974	CYP26B1	chr2:72356366-72374963	0.935433	1.19854	0.357574	0.664657
XLOC_024039	UPF3B	chrX:118967988-118986991	4.63884	5.94369	0.357595	0.476106
XLOC_021245	ORC5	chr7:103766787-103848495	19.3851	24.8393	0.357678	0.363734
XLOC_013665	MYBL2	chr20:42295708-42345122	14.0292	17.9795	0.357919	0.386372
XLOC_022991	ABCA1	chr9:107543283-107690527	0.0154249	0.0197682	0.357919	1
XLOC_009082	AOC2	chr17:40996608-41002724	1.93912	2.48557	0.358172	0.62768
XLOC_003804	ZC3H12C	chr11:109964086-110042566	0.774748	0.993463	0.358738	0.525673
XLOC_002032	SNORD47	chr1:173832385-173837125	431.035	552.791	0.358931	0.967226
XLOC_018446	GTF3C6	chr6:111279762-111289091	56.5786	72.5615	0.358947	0.361239
XLOC_009430	NUP88	chr17:5289345-5342471	23.5855	30.2502	0.35904	0.858377
XLOC_003047	NUDT9P1	chr10:92911760-92912837	0.19944	0.255834	0.359258	1
XLOC_001592	WDR78	chr1:67278571-67390570	0.227516	0.291882	0.359418	1
XLOC_006685	OSGEP	chr14:20915206-20923267	28.0153	35.9431	0.3595	0.362399
XLOC_017742	KIAA0825	chr5:93486555-93954309	0.024523	0.0314659	0.359654	1
XLOC_010041	PPP1R27	chr17:79791367-79792926	0.169855	0.217997	0.360003	1
XLOC_017586	ZNF622	chr5:16451627-16465894	30.956	39.7313	0.360055	0.361239
XLOC_023485	PBDC1	chrX:75392770-75398033	23.5385	30.2122	0.360109	0.375413
XLOC_004808	TMEM117	chr12:44229961-44783541	0.895476	1.14938	0.360128	0.673586
XLOC_010148	C18orf8	chr18:21083433-21166581	8.94578	11.4833	0.360263	0.760118
XLOC_013085	UXS1	chr2:106709758-106810795	10.2849	13.2031	0.360348	0.416627
XLOC_023556	ATG4A	chrX:107334898-107397901	1.7932	2.30243	0.36062	0.599775
XLOC_006523	VRK1	chr14:97263683-97347951	11.7884	15.1361	0.360634	0.419968
XLOC_018512	TBPL1	chr6:134273307-134308638	7.83505	10.0626	0.360988	0.494451
XLOC_004855	GRASP	chr12:52400728-52409673	0.471638	0.605761	0.361068	0.83793
XLOC_001790	HIST2H2BC	chr1:149821758-149822340	5.46852	7.02389	0.361118	0.765908
XLOC_023044	TRAF1	chr9:123664670-123691451	0.81281	1.04413	0.361307	0.662604
XLOC_000077	APITD1,APITD1-C	chr1:10490158-10512060	8.88129	11.4092	0.361358	0.513388
XLOC_022450	LOC100132077	chr9:97094757-97123230	0.148028	0.190178	0.361474	1
XLOC_010970	DHX34	chr19:47852537-47885961	10.8661	13.9605	0.361515	0.387199
XLOC_021740	NDUFB9	chr8:125551342-125562227	574.334	737.894	0.361524	0.356885
XLOC_007124	CHRM5	chr15:34158427-34357287	0.025171	0.03234	0.36156	1
XLOC_021556	TACC1	chr8:38585703-38710546	3.28808	4.2255	0.361877	0.389453

XLOC_010774	SCN1B	chr19:35521591-35531353	4.27588	5.49599	0.362158	0.633194
XLOC_006664	TEX22	chr14:105864919-105880196	0.235692	0.302953	0.362191	1
XLOC_016469	C4orf32	chr4:113066552-113110237	4.17115	5.36193	0.362306	0.482379
XLOC_023421	TSR2	chrX:54466852-54471731	25.3288	32.5683	0.362692	0.365953
XLOC_018695	HIST1H2BK	chr6:27106071-27114637	34.9117	44.8921	0.362751	0.417242
XLOC_008876	UBB	chr17:16284366-16286054	1030.57	1325.51	0.363107	0.384397
XLOC_017020	ENPP6	chr4:185009858-185139114	0.0247181	0.0317951	0.363235	1
XLOC_014227	PCNT	chr21:47744035-47865682	1.97941	2.54635	0.363355	0.412216
XLOC_009214	C17orf82	chr17:59489111-59490641	0.333484	0.429033	0.363472	0.907121
XLOC_013097	NPHP1	chr2:110880913-110962639	0.989157	1.27265	0.363561	0.66119
XLOC_001095	RNF187	chr1:228675067-228683889	58.1389	74.8023	0.363579	0.347988
XLOC_022497	ZNF462	chr9:109625377-109848716	0.895232	1.15183	0.363598	0.514736
XLOC_016050	GOLIM4	chr3:167727653-167813417	0.657553	0.846129	0.363771	0.70639
XLOC_018525	ABRACL	chr6:139349818-139364439	82.0651	105.639	0.364307	0.347688
XLOC_023067	PSMB7	chr9:127115743-127177752	257.553	331.543	0.364329	0.480741
XLOC_004255	FADS3	chr11:61640997-61659006	65.4299	84.2444	0.364631	0.354806
XLOC_009336	BAHCC1	chr17:79373539-79433358	1.16779	1.50422	0.365232	0.532305
XLOC_013897	APMAP	chr20:24943579-24973425	50.0266	64.4522	0.365534	0.343733
XLOC_020600	FZD1	chr7:90893782-90898132	1.60309	2.06552	0.365654	0.604499
XLOC_016103	RFC4	chr3:186501360-186524484	25.5145	32.8795	0.365871	0.884031
XLOC_003607	SLC22A20	chr11:64981310-65010228	0.145554	0.187579	0.36594	1
XLOC_010461	ADAT3_SCAMP4	chr19:1905370-1926012	39.1687	50.4829	0.366093	0.409587
XLOC_016141	PCYT1A	chr3:195965252-196014584	5.8891	7.59037	0.366122	0.495709
XLOC_001203	MRPL20	chr1:1334909-1342693	139.775	180.155	0.366131	0.390341
XLOC_020755	CPA4	chr7:129932973-129964020	0.0145985	0.018816	0.366141	1
XLOC_014294	MIS18A	chr21:33640529-33651376	14.3325	18.4793	0.366621	0.396999
XLOC_009931	SLC16A6	chr17:66255322-66417000	0.513347	0.661973	0.366838	0.774294
XLOC_001825	THEM4	chr1:151843342-151882361	3.71401	4.78963	0.366936	0.392176
XLOC_014393	CECR7	chr22:17517459-17539682	0.985602	1.27116	0.367065	0.693923
XLOC_002221	JMJD4	chr1:227916239-227968932	17.2245	22.2199	0.367389	0.619728
XLOC_012958	AAK1	chr2:69685126-69870977	0.898072	1.15853	0.367392	0.399575
XLOC_015408	RAP2B	chr3:152880028-152886263	13.5277	17.4588	0.368037	0.392586
XLOC_008727	GALNS	chr16:88880141-88923374	8.51237	10.9876	0.368247	0.426107
XLOC_004066	TMEM41B	chr11:9302200-9336315	26.7634	34.5469	0.368292	0.423783
XLOC_016251	TAPT1-AS1	chr4:16228285-16259810	0.262251	0.338534	0.368355	1
XLOC_002542	TMEM254	chr10:81805988-81852307	1.87969	2.42664	0.368465	0.622746
XLOC_008998	TAF15	chr17:34136458-34174246	70.0991	90.5099	0.36868	0.330706
XLOC_018815	BAK1	chr6:33540322-33548070	50.5926	65.3326	0.368875	0.339765
XLOC_012512	HAT1	chr2:172778934-172848600	23.0489	29.7674	0.369033	0.335344
XLOC_017862	DIAPH1	chr5:140894587-140998622	10.2139	13.1949	0.369441	0.352882
XLOC_008407	FAM86A	chr16:5121809-5147789	11.0847	14.3232	0.369778	0.59519
XLOC_019133	ZC3H12D	chr6:149768765-149806148	0.0229807	0.029695	0.369794	1
XLOC_001265	MTOR	chr1:11166587-11322608	2.71819	3.51242	0.36982	0.377304
XLOC_000440	DNAJC6	chr1:65730376-65881552	1.5881	2.05217	0.369849	0.47659
XLOC_009835	SLC35B1	chr17:47778689-47785282	40.9122	52.8682	0.369867	0.345838
XLOC_005152	PSMD9	chr12:122326636-122355771	33.7013	43.5503	0.369877	0.330706
XLOC_005629	SOCS2-AS1	chr12:93959403-93970521	0.559059	0.722526	0.370049	0.967343
XLOC_005713	SLC24A6	chr12:113736570-113772925	9.81212	12.6814	0.370079	0.390817
XLOC_011054	EMC10	chr19:50970044-50986608	32.3304	41.7919	0.370333	0.367402

XLOC_023330	TSPAN7	chrX:38420730-38548172	0.823353	1.06454	0.370648	0.730925
XLOC_013850	TRMT6	chr20:5918485-5931173	9.84077	12.7238	0.370691	0.363569
XLOC_011289	MKNK2	chr19:2037469-2051243	49.1649	63.5713	0.370746	0.384626
XLOC_021060	FIGNL1	chr7:50511831-50518088	2.45127	3.16969	0.370815	0.465794
XLOC_002111	LMOD1	chr1:201865583-201915716	0.142969	0.184887	0.370943	1
XLOC_017061	NDUFS6	chr5:1801495-1816167	121.919	157.67	0.370992	0.338996
XLOC_007929	ALG1	chr16:5121809-5147789	5.17419	6.69257	0.371226	0.633194
XLOC_009957	GRIN2C	chr17:72838167-72856007	0.119603	0.15471	0.371304	1
XLOC_015805	LRIG1	chr3:66119284-66550845	2.18253	2.82319	0.371322	0.838902
XLOC_016033	SHOX2	chr3:157813799-157823952	0.14443	0.18683	0.371359	1
XLOC_022815	FAM166B	chr9:35490006-35563896	0.946706	1.22465	0.371379	0.969901
XLOC_005712	IQCD	chr12:113633245-113658880	0.169368	0.219141	0.371696	1
XLOC_011276	C19orf25	chr19:1450147-1479228	31.0551	40.185	0.371824	0.363587
XLOC_015869	ATG3	chr3:112251358-112280485	30.3854	39.3189	0.371843	0.334695
XLOC_023371	WAS	chrX:48542185-48549817	0.170991	0.221273	0.371903	1
XLOC_024017	AMMECR1	chrX:109437413-109699562	1.22084	1.58001	0.372061	0.514736
XLOC_001554	MAGOH	chr1:53692563-53793821	68.4977	88.6609	0.372243	0.469269
XLOC_021992	ATP6V1H	chr8:54628102-54755871	33.9734	43.9851	0.372611	0.325655
XLOC_023162	DKFZP434A062	chr9:139216997-139221779	0.0141525	0.0183255	0.372793	1
XLOC_006652	KIF26A	chr14:104605059-104647235	2.40022	3.10813	0.372884	0.504902
XLOC_018586	LOC729603	chr6:160390130-160527583	0.240248	0.311128	0.372983	1
XLOC_021650	FABP5	chr8:82192717-82197012	251.132	325.264	0.373165	0.327486
XLOC_020861	ABCB8	chr7:150725509-150744869	5.3948	6.98774	0.373256	0.390817
XLOC_011351	ACER1	chr19:6306509-6333640	0.976051	1.26426	0.373267	0.805817
XLOC_011485	GIPC1	chr19:14588570-14606961	132.531	171.671	0.373313	0.341841
XLOC_023695	ABCD1	chrX:152990322-153010216	11.6769	15.1257	0.373352	0.374271
XLOC_015948	FAM86HP	chr3:129800673-129830276	1.20395	1.55957	0.373369	0.688705
XLOC_004800	ALG10	chr12:34175215-34181236	1.13571	1.47136	0.373559	0.618375
XLOC_011323	SIRT6	chr19:4174105-4182596	26.9445	34.9156	0.37388	0.35044
XLOC_008502	KCTD13	chr16:29917656-29937545	10.2726	13.3148	0.37423	0.461842
XLOC_004769	GOLT1B	chr12:21654698-21671337	8.82488	11.4386	0.374261	0.36667
XLOC_001889	SCAMP3	chr1:155225769-155232176	45.1981	58.6057	0.374778	0.317579
XLOC_011020	ALDH16A1	chr19:49956472-49974305	11.1239	14.4244	0.374855	0.382564
XLOC_014490	ZNRF3	chr22:29279754-29453476	1.36563	1.7709	0.374916	0.512407
XLOC_008247	GAN	chr16:81348570-81413803	0.210879	0.27356	0.37544	1
XLOC_006255	PNP	chr14:20937537-20946165	76.0401	98.6508	0.375571	0.319848
XLOC_010993	GRIN2D	chr19:48898131-48948188	17.9984	23.3506	0.37559	0.332523
XLOC_014701	YDJC	chr22:21982377-21984340	111.821	145.137	0.376221	0.319804
XLOC_023973	SYTL4	chrX:99929488-99987135	0.805224	1.04535	0.37652	0.614106
XLOC_000308	ZFP69B	chr1:40916336-40929390	1.0404	1.3509	0.376782	0.673957
XLOC_001924	ETV3	chr1:157094458-157108383	0.371318	0.482146	0.376818	0.806275
XLOC_009884	TBC1D3P1-DHX4	chr17:58053384-58096336	0.323416	0.419972	0.376899	0.85718
XLOC_009047	CDC6	chr17:38444145-38459413	7.93685	10.3101	0.377415	0.358261
XLOC_002346	CDC123	chr10:12171639-12292589	138.185	179.511	0.377463	0.503119
XLOC_008316	MRPL28	chr16:417383-420569	101.891	132.366	0.377511	0.311408
XLOC_017558	SDHAP3	chr5:1572072-1594646	3.31479	4.30666	0.377652	0.633137
XLOC_002565	LOC439994	chr10:88998423-89103331	3.15707	4.10204	0.377758	0.881798
XLOC_011701	POU2F2	chr19:42590261-42636625	0.0801676	0.104174	0.3779	1
XLOC_008098	ADCY7	chr16:50321822-50352043	6.4292	8.35471	0.377951	0.333549

XLOC_010010	CANT1	chr17:76987797-77005899	22.5681	29.329	0.378041	0.324591
XLOC_015932	RUVBL1	chr3:127799799-127842671	48.9013	63.558	0.378201	0.318076
XLOC_008353	ZNF598	chr16:2047652-2059822	39.8664	51.8221	0.378392	0.319187
XLOC_017450	UBLCP1	chr5:158690088-158713048	8.87257	11.5348	0.378564	0.355674
XLOC_005319	MANSC1	chr12:12482217-12503169	3.29375	4.2823	0.378655	0.513296
XLOC_009919	SMURF2	chr17:62540734-62658386	77.2859	100.504	0.378982	0.337256
XLOC_011638	ZNF573	chr19:38229202-38270230	0.151489	0.197011	0.379065	1
XLOC_015941	H1FX	chr3:129033613-129043412	205.852	267.771	0.379394	0.312144
XLOC_000763	MSTO1	chr1:155579960-155584758	7.66066	9.96631	0.379591	0.392178
XLOC_009100	G6PC3	chr17:42148097-42153712	67.4841	87.8029	0.379719	0.30134
XLOC_012124	LCLAT1	chr2:30670122-30867091	2.56807	3.34144	0.379787	0.413223
XLOC_015467	LOC100505687	chr3:183165395-183173800	3.31614	4.31513	0.379899	0.555392
XLOC_022033	SLCO5A1	chr8:70584567-70747299	2.16025	2.81106	0.379918	0.52274
XLOC_020697	DNAJB9	chr7:108210188-108215294	8.67339	11.2871	0.380001	0.376508
XLOC_020525	TYW1	chr7:66461791-66704507	3.89595	5.07003	0.380021	0.413789
XLOC_006820	GCH1	chr14:55308723-55369542	6.3827	8.30667	0.380103	0.474163
XLOC_021253	ATXN7L1	chr7:105245220-105517031	1.17552	1.52991	0.380153	0.705123
XLOC_011789	TMEM160	chr19:47549166-47551882	53.7075	69.9154	0.380486	0.450976
XLOC_005066	TXNRD1	chr12:104609556-104744085	23.5031	30.5979	0.38058	0.312491
XLOC_015857	MYH15	chr3:108099215-108248169	0.151836	0.197742	0.381098	1
XLOC_009374	INPP5K	chr17:1397870-1420182	13.4848	17.5671	0.38154	0.331994
XLOC_010682	GLT25D1	chr19:17666510-17693965	52.3763	68.2605	0.382135	0.317407
XLOC_007945	SHISA9	chr16:12995476-13334273	0.917905	1.19631	0.38218	0.536934
XLOC_000025	ATAD3B	chr1:1407163-1431582	44.2116	57.6216	0.382183	0.304538
XLOC_014191	SLC37A1	chr21:43919741-44001550	6.05689	7.89757	0.382832	0.393394
XLOC_007209	SLC27A2	chr15:50474392-50528589	12.7094	16.5773	0.383321	0.333549
XLOC_012630	TMEM169	chr2:216946588-216967506	0.0253713	0.0330952	0.383425	1
XLOC_009828	SNF8	chr17:47007458-47022154	78.9624	103.021	0.383704	0.28912
XLOC_002212	PYCR2	chr1:226107576-226112040	61.8655	80.7204	0.3838	0.302361
XLOC_014562	APOBEC3A,APOE	chr22:39353526-39388784	16.7375	21.8445	0.384183	0.358175
XLOC_005522	CNPY2,PAN2	chr12:56704212-56727837	102.702	134.047	0.384278	0.366523
XLOC_000293	C1orf122	chr1:38268613-38275126	63.5793	83.0044	0.38463	0.614359
XLOC_008710	EMC8	chr16:85812230-85833148	27.629	36.0731	0.38474	0.318231
XLOC_010869	SNRPA	chr19:41256758-41271297	137.532	179.657	0.38548	0.30074
XLOC_001444	CLSPN	chr1:36197712-36235551	0.858202	1.12121	0.38567	0.466414
XLOC_021910	TNFRSF10B	chr8:22844929-22941132	34.5565	45.148	0.385703	0.342693
XLOC_017840	HSPA9	chr5:137890570-137911318	174.972	228.639	0.385945	0.312888
XLOC_003618	SSSCA1	chr11:65337942-65339239	64.5944	84.4278	0.386309	0.358432
XLOC_000819	KLHDC9	chr1:161068150-161070138	0.187026	0.244498	0.386585	1
XLOC_001253	GPR157	chr1:9164475-9189229	0.202549	0.264869	0.387008	1
XLOC_006686	TMEM55B	chr14:20926011-20929637	27.3252	35.7437	0.387456	0.310597
XLOC_004309	EHD1	chr11:64620207-64646191	29.9582	39.1927	0.387632	0.297228
XLOC_015494	DNAJB11	chr3:186288466-186303589	21.9432	28.711	0.38783	0.310885
XLOC_012786	ODC1	chr2:10580507-10588453	207.341	271.309	0.387932	0.301521
XLOC_004345	ZDHC24	chr11:66306734-66313671	35.8329	46.8891	0.387968	0.351761
XLOC_017024	MLF1IP	chr4:185570766-185655286	9.55188	12.5007	0.388149	0.361239
XLOC_022218	MROH6	chr8:144648362-144654928	4.08636	5.34795	0.388169	0.515374
XLOC_011712	PSG3	chr19:43225793-43244668	0.0291331	0.0381281	0.388195	1
XLOC_008144	GPR114	chr16:57576600-57611100	2.06495	2.70277	0.388335	0.514396

XLOC_013712	SLC9A8	chr20:48429249-48508779	3.10495	4.06403	0.388341	0.384397
XLOC_003056	PIPSL	chr10:95717896-95721672	0.0101349	0.0132661	0.388423	1
XLOC_018137	ZSCAN12P1	chr6:28058584-28063493	0.7305	0.956208	0.38844	0.628025
XLOC_010392	BCL2	chr18:60790578-60986613	1.69813	2.22297	0.388542	0.800138
XLOC_018250	SNRPC	chr6:34724870-34741634	106.646	139.636	0.388842	0.284835
XLOC_007394	TICRR	chr15:90118817-90198682	3.73705	4.89328	0.388902	0.552646
XLOC_003048	LOC100188947	chr10:93066718-93371217	0.11843	0.155093	0.3891	1
XLOC_011848	AKT1S1	chr19:50372296-50380644	49.3006	64.566	0.38917	0.284028
XLOC_012680	RHBDD1	chr2:227700670-227863923	3.01376	3.94724	0.389279	0.387821
XLOC_001493	ZMYND12	chr1:42896000-42921938	0.240519	0.315036	0.389369	1
XLOC_005587	MRS2P2	chr12:72233486-72320629	0.0185977	0.0243597	0.389372	1
XLOC_005093	TCHP	chr12:110338078-110355874	4.27622	5.60119	0.389396	0.403799
XLOC_008809	EIF5A	chr17:7210317-7215782	885.881	1160.51	0.389576	0.332923
XLOC_024078	MBNL3	chrX:131503342-131623996	0.30682	0.40197	0.389693	0.532321
XLOC_023420	RIBC1	chrX:53449804-53458063	0.595017	0.779894	0.390347	0.780762
XLOC_016738	LRRC66	chr4:52859865-52883786	0.0545711	0.0715295	0.390401	1
XLOC_015364	FAIM	chr3:138327541-138352213	7.43247	9.74239	0.390434	0.474234
XLOC_006922	SEL1L	chr14:81937890-82000205	3.63841	4.7692	0.390439	0.315311
XLOC_010145	RBBP8	chr18:20513294-20606449	4.20628	5.51434	0.390644	0.401334
XLOC_000580	RBM15	chr1:110881944-110889303	4.11306	5.39225	0.390674	0.424204
XLOC_018013	TRIM7	chr5:180620923-180632177	11.9654	15.6884	0.390828	0.52085
XLOC_011763	SIX5	chr19:46268042-46272497	11.3387	14.8671	0.390869	0.358261
XLOC_007270	CORO2B	chr15:68871307-69020144	2.57947	3.38241	0.39098	0.466843
XLOC_017788	FLJ33630	chr5:127357243-127418766	0.98646	1.29353	0.390981	0.587084
XLOC_019151	CNKSR3	chr6:154726432-154831753	1.44717	1.89792	0.391186	0.547473
XLOC_001884	MUC1	chr1:155158299-155162706	3.73359	4.89726	0.391412	0.553823
XLOC_014396	CECR2	chr22:17956627-18033845	0.036601	0.0480122	0.39152	1
XLOC_008918	DHRS7B	chr17:21030240-21095285	10.3847	13.6224	0.39153	0.353588
XLOC_016412	WDFY3-AS2	chr4:85887970-85928168	0.225844	0.29629	0.391683	1
XLOC_018433	SOBP	chr6:107811316-107982513	0.559058	0.733661	0.392115	0.628907
XLOC_010631	CC2D1A	chr19:14016955-14041693	17.5257	23.0103	0.392809	0.302181
XLOC_009246	KPNA2	chr17:66031847-66042970	91.1247	119.653	0.392943	0.293112
XLOC_008652	LOC100506083	chr16:70323669-70380650	0.270381	0.355037	0.392977	1
XLOC_015930	TPRA1	chr3:127291906-127309602	45.2872	59.4719	0.393104	0.289821
XLOC_016623	CPLX1	chr4:778744-819945	5.23756	6.87911	0.393326	0.546604
XLOC_010798	PSENE1	chr19:36236493-36237903	84.6314	111.195	0.393823	0.297593
XLOC_023090	PIP5K1	chr9:130683807-130693076	23.398	30.7502	0.394213	0.418954
XLOC_000798	IFI16	chr1:158979681-159024945	39.7732	52.2768	0.394375	0.28912
XLOC_011606	IGFLR1	chr19:36230150-36233351	2.71746	3.57178	0.394386	0.688092
XLOC_000087	AGTRAP	chr1:11796141-11810828	72.0671	94.7712	0.395108	0.282119
XLOC_003256	TSSC4	chr11:2423522-2425106	35.4965	46.6818	0.395185	0.312715
XLOC_014430	THAP7-AS1	chr22:21354060-21368576	2.88822	3.79844	0.395229	0.878705
XLOC_014810	MFNG	chr22:37865100-37882478	0.0953755	0.125437	0.395279	1
XLOC_004833	TMBIM6	chr12:50135292-50158717	277.4	364.922	0.395619	0.308679
XLOC_006483	FOXN3-AS1	chr14:89622515-90085494	1.96236	2.58152	0.395629	0.913056
XLOC_010637	CD97	chr19:14491955-14519537	24.3075	31.9776	0.395656	0.285666
XLOC_022112	NIPAL2	chr8:99204386-99306621	0.238057	0.313204	0.395797	1
XLOC_022648	COL5A1	chr9:137533651-137736688	0.00633606	0.00833671	0.395891	1
XLOC_007259	DIS3L	chr15:66585632-66626236	3.92601	5.17104	0.39739	0.357338

XLOC_008877	TRPV2	chr17:16318855-16340317	0.79644	1.0493	0.397791	0.693623
XLOC_008051	ZNF771	chr16:30418734-30429916	11.0596	14.5716	0.397857	0.549965
XLOC_008133	HERPUD1	chr16:56965747-56977793	48.8913	64.4168	0.397858	0.299775
XLOC_004857	C12orf44	chr12:52463757-52471279	60.3477	79.5187	0.397996	0.284182
XLOC_011731	PLAUR	chr19:44150246-44174498	108.577	143.164	0.398955	0.259419
XLOC_011796	NAPA	chr19:47987538-48018515	40.0893	52.8674	0.399159	0.294591
XLOC_004577	PVRL1	chr11:119508807-119599435	8.74418	11.5349	0.399611	0.506451
XLOC_016645	FAM86EP	chr4:3943668-3957148	0.754552	0.99539	0.39964	0.647903
XLOC_004939	SHMT2	chr12:57623355-57634475	288.502	380.631	0.399812	0.333549
XLOC_004302	NRXN2	chr11:64373645-64490660	0.114481	0.151091	0.400304	1
XLOC_015580	TMEM40	chr3:12775391-12800808	0.111813	0.147575	0.40036	1
XLOC_015234	CEP97	chr3:101443493-101486181	0.480924	0.634743	0.400361	0.61923
XLOC_003874	TECTA	chr11:120973374-121061515	0.0450418	0.0594511	0.40044	1
XLOC_017839	ETF1	chr5:137841781-137878989	31.5847	41.6902	0.400482	0.287405
XLOC_007123	RYR3	chr15:33603176-34158303	0.00534307	0.00705282	0.400531	1
XLOC_014221	COL18A1	chr21:46825096-46933634	2.65614	3.50626	0.400605	0.435778
XLOC_016023	SLC33A1	chr3:155544300-155572248	3.89227	5.13917	0.400923	0.415024
XLOC_002408	ZNF37A	chr10:38383263-38412278	1.85154	2.44492	0.401063	0.371307
XLOC_007888	FLJ42627	chr16:2688982-2696130	2.27602	3.00547	0.40108	0.386372
XLOC_013167	LCT	chr2:136545414-136594750	0.0127459	0.0168322	0.401185	1
XLOC_015296	DIRC2	chr3:122513900-122599986	9.66833	12.7706	0.401483	0.303246
XLOC_011265	RNF126	chr19:647525-663233	74.7273	98.7136	0.401613	0.278484
XLOC_023787	SCARNA9L	chrX:20142635-20159966	1.22872	1.62325	0.401728	0.970994
XLOC_016542	KIAA0922	chr4:154387497-154557862	2.14903	2.8397	0.402052	0.389795
XLOC_018845	TMEM217	chr6:37179953-37300746	0.160817	0.21253	0.402245	1
XLOC_010755	C19orf40	chr19:33463147-33467960	2.10872	2.78852	0.403134	0.644644
XLOC_017522	HNRNPAB	chr5:177631507-177659803	138.663	183.424	0.403592	0.302001
XLOC_002636	ENTPD7	chr10:101419262-101515894	3.04149	4.02368	0.403739	0.797341
XLOC_023857	FOXP3	chrX:49091926-49121288	0.298217	0.394527	0.403763	0.957728
XLOC_010047	MAFG	chr17:79876144-79885587	9.00275	11.9127	0.404067	0.285406
XLOC_011496	NOTCH3	chr19:15270443-15311792	0.154044	0.203854	0.404193	1
XLOC_012771	RNASEH1	chr2:3592690-3605940	9.40198	12.4426	0.404252	0.347688
XLOC_009060	EIF1	chr17:39845126-39847898	759.08	1004.74	0.404492	0.329474
XLOC_014238	HSPA13	chr21:15743436-15755509	5.93205	7.85384	0.404868	0.298867
XLOC_017994	HNRNPH1	chr5:179041178-179050722	70.4303	93.3133	0.405887	0.254335
XLOC_001291	UQCRHL	chr1:16133656-16134194	1.72475	2.28524	0.405963	0.767689
XLOC_009004	PIGW	chr17:34891402-34895150	4.71601	6.24985	0.406254	0.392037
XLOC_018062	CD83	chr6:14117486-14137148	3.62518	4.80471	0.406396	0.419912
XLOC_003588	GPR137	chr11:64037299-64056972	13.3264	17.664	0.406525	0.722665
XLOC_017859	HARS	chr5:140053489-140078890	35.1596	46.607	0.406629	0.387195
XLOC_009559	C17orf103	chr17:21142183-21156578	4.08518	5.41537	0.40666	0.35293
XLOC_000092	TNFRSF8	chr1:12123433-12204264	0.225226	0.298605	0.40686	1
XLOC_001189	HES4	chr1:934341-935552	74.3255	98.5411	0.406869	0.333549
XLOC_010249	ZNF407	chr18:72342918-72777628	0.761139	1.00918	0.406954	0.465786
XLOC_004173	RAPSN	chr11:47459307-47470730	0.093105	0.123448	0.406977	1
XLOC_013221	SPC25	chr2:169727400-169746944	13.302	17.6395	0.407169	0.344988
XLOC_004562	IFT46	chr11:118401802-118436791	7.07072	9.37666	0.407217	0.372669
XLOC_009471	ALOX12B	chr17:7975953-7991021	3.10328	4.1154	0.407239	0.498357
XLOC_004277	SNORD22	chr11:62619459-62623360	64.2062	85.1951	0.408058	0.970185

XLOC_007625	KIAA0101	chr15:64657210-64673702	21.391	28.3849	0.408123	0.290507
XLOC_017054	AHRR,PCDC6	chr5:271735-438405	91.4849	121.4	0.408165	0.28166
XLOC_012900	ATP6V1E2	chr2:46738985-46747096	2.17787	2.89107	0.408688	0.521655
XLOC_010470	GADD45B	chr19:2476122-2478257	60.9898	80.9688	0.408797	0.262704
XLOC_022054	MRPS28	chr8:80831094-80942506	39.0513	51.8466	0.408881	0.31071
XLOC_009574	SGK494	chr17:26926150-26972177	0.543602	0.721775	0.408999	0.898731
XLOC_009463	SOX15	chr17:7486964-7493488	0.287	0.38107	0.409007	0.974767
XLOC_018291	MDF1	chr6:41606194-41621982	28.279	37.5497	0.409074	0.288038
XLOC_002174	INTS7	chr1:212113740-212278187	3.16644	4.20459	0.409102	0.738519
XLOC_020345	IQCE	chr7:2598631-2654368	1.07193	1.42339	0.409121	0.473009
XLOC_012746	GPR35	chr2:241544824-241570676	0.357218	0.474385	0.409256	0.824372
XLOC_004856	NR4A1	chr12:52416615-52453291	12.2538	16.2773	0.409629	0.3056
XLOC_002938	ASAH2	chr10:51946999-52008370	0.0633661	0.0841805	0.409776	1
XLOC_013392	SERPINE2	chr2:224839764-224904036	1.11121	1.47636	0.409911	0.612247
XLOC_007653	LCTL	chr15:66797430-66857835	0.491849	0.653574	0.410136	0.919076
XLOC_002677	PDCD11	chr10:105156411-105206019	9.73384	12.9355	0.410256	0.266373
XLOC_022523	C9orf91	chr9:117373705-117408703	8.26708	10.9899	0.410725	0.291131
XLOC_001564	CYB5RL	chr1:54638026-54665746	0.407458	0.541713	0.410879	0.680305
XLOC_000868	BLZF1	chr1:169337193-169396670	1.04436	1.38891	0.411332	0.590377
XLOC_004213	SLC43A1	chr11:57252003-57283192	25.1541	33.4593	0.411614	0.271045
XLOC_001717	ST7L	chr1:113066140-113162040	3.36634	4.47784	0.411622	0.466805
XLOC_010793	ETV2	chr19:36132646-36135773	0.357755	0.475889	0.411653	0.860285
XLOC_013179	NMI	chr2:152126981-152146430	9.00595	11.9802	0.411707	0.338675
XLOC_014405	DGCR9	chr22:19005346-19007761	0.0505417	0.0672414	0.411875	1
XLOC_014352	U2AF1	chr21:44513065-44527688	175.002	232.849	0.412019	0.261879
XLOC_008182	C16orf86	chr16:67700716-67702661	0.176797	0.235315	0.412495	1
XLOC_009435	NLRP1	chr17:5404718-5487832	0.390742	0.520135	0.412668	0.639446
XLOC_003046	ANKRD1	chr10:92671856-92681032	0.225849	0.300644	0.412699	1
XLOC_017372	PCDHB5	chr5:140514799-140517704	0.0287178	0.0382289	0.412721	1
XLOC_016970	PLRG1	chr4:155456148-155471585	11.8603	15.7928	0.413133	0.243499
XLOC_003714	NEU3	chr11:74699949-74718743	0.355234	0.473032	0.413171	0.737677
XLOC_001225	FLJ42875	chr1:2976180-2984289	6.36827	8.48099	0.413332	0.66836
XLOC_013336	IDH1	chr2:209100952-209119806	12.2014	16.2505	0.413439	0.282505
XLOC_015727	MON1A	chr3:49946301-49967445	10.5062	13.9935	0.413523	0.389795
XLOC_010500	CHAF1A	chr19:4402659-4443394	11.4474	15.2472	0.413527	0.266689
XLOC_019146	SYNE1	chr6:152442818-152958534	0.00914231	0.0121779	0.413639	1
XLOC_001508	TCTEX1D4	chr1:45266035-45272957	0.0709061	0.0944711	0.413963	1
XLOC_003431	DGKZ	chr11:46354454-46402104	23.5725	31.4072	0.41399	0.255196
XLOC_014748	RHBDD3	chr22:29655843-29663914	20.4059	27.1982	0.414523	0.30787
XLOC_011310	TBXA2R	chr19:3594503-3606831	3.04549	4.05929	0.414556	0.544735
XLOC_012326	UNC50	chr2:99225041-99234977	25.5448	34.0485	0.414561	0.299594
XLOC_009081	PSME3	chr17:40985158-40995777	34.0537	45.3949	0.414718	0.239825
XLOC_013125	TMEM185B	chr2:120975046-120980984	10.8104	14.415	0.415155	0.252509
XLOC_023173	SNHG7,SNORA17	chr9:139607023-139622636	467.188	622.979	0.41518	0.569689
XLOC_022203	ARC	chr8:143692404-143695833	6.03184	8.04452	0.415408	0.397595
XLOC_010922	PVR	chr19:45147097-45169428	15.4488	20.608	0.415702	0.24507
XLOC_015719	AMIGO3	chr3:49726949-49761384	2.85311	3.80593	0.415715	0.871053
XLOC_006194	UBAC2-AS1	chr13:99848627-100058554	0.350321	0.467393	0.415958	0.975928
XLOC_005674	CRY1	chr12:107385142-107487635	8.75528	11.6831	0.416196	0.297533

XLOC_007399	GDPGP1	chr15:90777486-90785312	0.965437	1.28833	0.416253	0.726595
XLOC_009197	RAD51C	chr17:56769962-56811692	18.7824	25.0648	0.416279	0.343481
XLOC_014794	APOL2	chr22:36622254-36636000	4.2795	5.7161	0.417587	0.373268
XLOC_020710	ST7	chr7:116592500-116870075	9.26739	12.3795	0.417714	0.42207
XLOC_014201	TRAPPC10	chr21:45432205-45526432	2.43681	3.25522	0.417762	0.319187
XLOC_001191	C1orf159	chr1:1017197-1051736	12.8254	17.1365	0.41807	0.34618
XLOC_018557	MTHFD1L	chr6:151186814-151423023	32.3317	43.2165	0.418634	0.43363
XLOC_007602	LOC145783	chr15:57178367-57210697	0.16635	0.22247	0.419391	1
XLOC_009791	ARHGAP27	chr17:43506717-43510282	3.51239	4.69855	0.419763	0.708756
XLOC_004747	ATF7IP	chr12:14518610-14651697	2.16371	2.89569	0.420395	0.339765
XLOC_005345	GYS2	chr12:21689122-21757781	0.0133694	0.0178951	0.420628	1
XLOC_009980	FBF1	chr17:73906617-73937119	1.26737	1.69655	0.420773	0.547072
XLOC_008011	KDM8	chr16:27214806-27233089	0.463659	0.620675	0.420774	0.722814
XLOC_005758	VPS33A	chr12:122716093-122751068	7.39223	9.8958	0.420807	0.293112
XLOC_009999	LOC100131096	chr17:76000317-76107880	1.01373	1.35737	0.421137	0.73849
XLOC_017866	PCDH1	chr5:141232672-141257944	4.88482	6.54269	0.421579	0.324946
XLOC_001886	GBAP1	chr1:155178489-155197325	1.53073	2.05031	0.421625	0.923276
XLOC_014639	PIM3	chr22:50354142-50357720	42.1619	56.4829	0.421874	0.265533
XLOC_008750	WDR81	chr17:1619816-1641893	10.9208	14.6304	0.421889	0.296679
XLOC_014464	SUSD2	chr22:24577443-24585074	0.083401	0.111741	0.422023	1
XLOC_001481	MYCL1	chr1:40361095-40367687	3.66656	4.91276	0.422106	0.415208
XLOC_011476	PODNL1	chr19:14041999-14072256	0.15175	0.203439	0.422901	1
XLOC_024200	GAB3	chrX:153903526-153979348	0.0105601	0.0141585	0.423051	1
XLOC_007814	HBA1	chr16:226678-227520	0.340314	0.456325	0.423196	0.915223
XLOC_008072	TRIM72	chr16:31225341-31236510	4.55077	6.10358	0.423544	0.487261
XLOC_006986	XRCC3	chr14:104095524-104181823	10.4686	14.0465	0.424141	0.663122
XLOC_013438	ILKAP	chr2:239079042-239112324	29.8884	40.1083	0.424316	0.247848
XLOC_017852	PFDN1	chr5:139624634-139682689	100.972	135.509	0.424435	0.230069
XLOC_016142	TCTEX1D2, TM4S	chr3:196018089-196065291	88.6903	119.036	0.424544	0.244917
XLOC_002254	SNORA14B	chr1:235272657-235292256	9.57442	12.8508	0.424602	0.965252
XLOC_021056	PKD1L1	chr7:47814249-47988071	0.0855505	0.114832	0.424678	1
XLOC_020989	LOC646762, ZNRF	chr7:29685537-29727859	1.95466	2.62396	0.424825	0.378746
XLOC_007986	C16orf52	chr16:22019455-22095972	1.28409	1.72396	0.42498	0.448055
XLOC_007884	ATP6V0C	chr16:2563726-2570224	238.896	320.772	0.425168	0.22341
XLOC_000191	TMEM57	chr1:25757387-25826698	4.72907	6.35065	0.425346	0.283754
XLOC_022713	SPATA6L	chr9:4598315-4666674	0.5805	0.779568	0.42538	0.827135
XLOC_007895	FLYWCH1	chr16:2961979-3001209	16.2229	21.7885	0.425534	0.220227
XLOC_008945	NEK8	chr17:27055831-27069784	0.834693	1.12106	0.425541	0.633246
XLOC_004606	ESAM	chr11:124623018-124632223	8.20112	11.0168	0.425813	0.342126
XLOC_011031	PRRG2	chr19:50084586-50094265	0.949136	1.27536	0.426215	0.73942
XLOC_023304	POLA1	chrX:24712063-25015102	2.12924	2.86183	0.426602	0.310422
XLOC_003159	EIF3A	chr10:120794540-120840334	28.9125	38.8631	0.426708	0.23816
XLOC_018791	GPSM3, NOTCH4	chr6:32158542-32191844	0.219707	0.295371	0.426948	1
XLOC_017327	DDX46	chr5:134094460-134166812	5.19456	6.98585	0.427435	0.247052
XLOC_003648	RBM14, RBM14-RI	chr11:66384052-66445275	94.2526	126.756	0.427445	0.402378
XLOC_001501	MED8	chr1:43849578-43855483	17.8188	23.9702	0.427837	0.235458
XLOC_010223	CDH20	chr18:59157774-59222365	0.231264	0.311144	0.428044	1
XLOC_014936	JAGN1	chr3:9932270-9936031	28.927	38.9242	0.42825	0.234147
XLOC_015162	PXK	chr3:58318616-58410878	1.83199	2.46546	0.428449	0.525673

XLOC_007943	SNX29	chr16:12070601-12668146	0.562695	0.757402	0.428706	0.484507
XLOC_024073	ENOX2	chrX:129757356-130037208	1.17102	1.5766	0.429059	0.480199
XLOC_004139	ABTB2	chr11:34172533-34379555	2.32028	3.12594	0.42999	0.391565
XLOC_004462	SNORA25	chr11:93463680-93463812	2.49066	3.35648	0.430421	0.883053
XLOC_020360	ANKRD61	chr7:6048881-6098860	0.107768	0.145232	0.430428	1
XLOC_012869	EIF2AK2	chr2:37332283-37384190	2.12021	2.85853	0.431065	0.352576
XLOC_010028	SLC38A10	chr17:79218798-79269096	22.25	30.0037	0.431338	0.21812
XLOC_009433	DERL2	chr17:5377612-5389494	25.9917	35.0534	0.431505	0.254028
XLOC_011613	SYNE4	chr19:36494001-36499672	0.164371	0.221728	0.431835	1
XLOC_022881	TMEM2	chr9:74298281-74383800	0.474095	0.639599	0.431992	0.54836
XLOC_003195	LOC387723	chr10:131862161-131909081	0.869584	1.17333	0.432209	0.611715
XLOC_011379	TIMM44	chr19:7991602-8008708	26.4672	35.7287	0.432877	0.235458
XLOC_007561	GATM	chr15:45653321-45672321	0.391829	0.528992	0.433022	0.739297
XLOC_015350	SRPRB	chr3:133502876-133540336	22.0866	29.8186	0.433043	0.220075
XLOC_000669	VPS45	chr1:150039341-150117505	5.22405	7.05385	0.433241	0.318122
XLOC_017704	ZBED3	chr5:76372531-76444176	0.847724	1.14513	0.433841	0.840937
XLOC_023290	MBTPS2	chrX:21857655-21903541	2.6171	3.53589	0.434104	0.339765
XLOC_000596	WNT2B	chr1:113010039-113063910	0.885901	1.19693	0.434119	0.63407
XLOC_001913	GPATCH4	chr1:156564099-156571279	20.3616	27.5159	0.434414	0.21812
XLOC_005947	RBM26-AS1	chr13:79980443-79998468	0.266188	0.359732	0.434448	1
XLOC_011964	HSPBP1	chr19:55773590-55791751	37.9781	51.3326	0.434709	0.220993
XLOC_022631	CEL	chr9:135937364-135947250	0.702538	0.949596	0.434738	0.697338
XLOC_017853	HBEGF	chr5:139712427-139726188	26.9451	36.4224	0.434806	0.248913
XLOC_010048	PYCR1	chr17:79890266-79894968	197.254	266.716	0.435247	0.224006
XLOC_010694	IFI30	chr19:18284578-18288927	50.2838	68.0136	0.435728	0.224366
XLOC_000907	SOAT1	chr1:179262848-179327814	3.62	4.89651	0.435766	0.273588
XLOC_003183	FLJ37035	chr10:127371811-127408062	0.093341	0.126283	0.436083	1
XLOC_003932	LOC100133161	chr11:126986-131920	0.105575	0.142853	0.436267	1
XLOC_005174	ATP6V0A2	chr12:124196864-124246301	1.05565	1.42847	0.436335	0.403413
XLOC_011578	LINC00662	chr19:28281400-28284848	0.644658	0.87243	0.436504	0.681223
XLOC_007310	PPCDC	chr15:75315926-75343067	5.78437	7.8312	0.437073	0.347606
XLOC_020966	CYCS	chr7:25158269-25164980	21.6091	29.2558	0.437087	0.213147
XLOC_020628	BUD31	chr7:99006600-99063824	61.4558	83.2057	0.437134	0.810443
XLOC_020559	STAG3L1	chr7:74988428-74996914	0.0380019	0.0514534	0.437194	1
XLOC_020574	DTX2P1-UPK3BP	chr7:76610138-76653076	0.349446	0.4732	0.437381	0.80614
XLOC_016098	ETV5	chr3:185764105-185826901	11.8721	16.0772	0.437444	0.208798
XLOC_021803	PPP1R16A	chr8:145722108-145727504	36.4794	49.4022	0.437495	0.211893
XLOC_012068	RHOB	chr2:20646834-20649201	28.6564	38.8098	0.437564	0.217433
XLOC_003718	SNORD15A	chr11:75110534-75133345	5.59126	7.57294	0.43768	0.965534
XLOC_011588	SLC7A10	chr19:33685598-33716756	0.159836	0.216536	0.438017	1
XLOC_017686	SMA4	chr5:69423288-69586004	0.442125	0.599109	0.438362	0.718899
XLOC_012255	LBX2-AS1	chr2:74724643-74734821	8.098	10.9736	0.438404	0.60545
XLOC_012696	ARMC9	chr2:232063293-232238606	2.8196	3.82154	0.438665	0.452259
XLOC_005540	TMEM194A	chr12:57449425-57472574	5.83209	7.90529	0.438807	0.223482
XLOC_017854	SRA1	chr5:139929651-139937678	30.9954	42.017	0.438916	0.235798
XLOC_023082	PTRH1	chr9:130469270-130477936	72.6107	98.4459	0.43915	0.241921
XLOC_022559	ARPC5L	chr9:127631483-127639696	101.697	137.934	0.439701	0.20933
XLOC_002992	DNAJC9	chr10:75002581-75007025	35.5128	48.1669	0.439702	0.206179
XLOC_002984	SPOCK2	chr10:73818791-73848790	0.0231089	0.0313495	0.439989	1

XLOC_021402	ABCF2	chr7:150904922-150924317	51.3502	69.6819	0.440415	0.196771
XLOC_013382	CHPF	chr2:220403668-220408487	43.8831	59.5534	0.440518	0.18775
XLOC_002355	SUV39H2	chr10:14920781-14946304	5.56628	7.55479	0.440679	0.282517
XLOC_023895	UQCRBP1	chrX:56755717-56844004	0.0253274	0.0343785	0.440809	1
XLOC_015229	FAM172BP	chr3:101237710-101242731	0.239123	0.324818	0.441878	1
XLOC_005053	GAS2L3	chr12:100967488-101018685	0.369041	0.501365	0.442078	0.699755
XLOC_001856	S100A2	chr1:153533584-153538306	1027.86	1397.19	0.442884	0.253875
XLOC_021201	MCM7	chr7:99690403-99723128	144.274	196.13	0.443	0.310422
XLOC_006707	SLC7A7	chr14:23242431-23289020	0.184464	0.250802	0.443204	1
XLOC_008518	SEPHS2	chr16:30454951-30457224	50.6279	68.8438	0.443394	0.211369
XLOC_006926	EML5	chr14:89081173-89259096	0.159148	0.216479	0.443857	1
XLOC_002697	VTI1A	chr10:114206755-114578504	3.85107	5.23914	0.444073	0.265737
XLOC_011433	TMEM205	chr19:11453451-11456981	96.0381	130.663	0.444174	0.221615
XLOC_005074	POLR3B	chr12:106751435-107283094	1.00274	1.36473	0.444661	0.643713
XLOC_002667	TMEM180	chr10:104221169-104236802	5.07031	6.90071	0.444672	0.349952
XLOC_022849	MGC21881	chr9:41952398-41955076	1.03002	1.40212	0.444936	0.553492
XLOC_019026	OSTM1	chr6:108362612-108395941	3.35079	4.562	0.445163	0.307111
XLOC_005012	TMTC2	chr12:83080933-83528067	0.159831	0.217617	0.445246	1
XLOC_010708	DDX49	chr19:19030483-19039442	34.8341	47.4318	0.445355	0.203382
XLOC_009116	FMNL1	chr17:43299291-43324683	0.0269512	0.0367059	0.445663	1
XLOC_013199	RBMS1	chr2:161128661-161350318	0.12553	0.170996	0.445924	1
XLOC_011869	JOSD2	chr19:51009253-51014612	50.5762	68.8958	0.445958	0.255101
XLOC_013999	TNNC2	chr20:44451854-44455953	0.258296	0.351878	0.446052	1
XLOC_002073	GLT25D2	chr1:183904965-184006863	0.606788	0.826927	0.446568	0.530079
XLOC_009063	KLHL10	chr17:39994042-40004599	0.0601598	0.0820014	0.446849	1
XLOC_014137	HUNK	chr21:33245627-33376377	0.422369	0.575719	0.446859	0.5159
XLOC_006870	ERH	chr14:69846839-69865021	236.717	322.7	0.447025	0.201968
XLOC_002356	MEIG1	chr10:15001437-15014850	0.226327	0.308553	0.447108	1
XLOC_012233	NAGK	chr2:71295407-71305998	13.098	17.8579	0.447214	0.264981
XLOC_012242	ALMS1	chr2:73612885-73837046	0.560742	0.764926	0.447984	0.347688
XLOC_005724	TESC	chr12:117476727-117537251	47.0481	64.1801	0.44799	0.221358
XLOC_023138	SLC2A6	chr9:136336215-136344276	17.1283	23.3792	0.448847	0.232659
XLOC_010778	FXYP7	chr19:35634153-35645205	0.209879	0.286499	0.448971	1
XLOC_003881	GRAMD1B	chr11:123396527-123493518	0.0705072	0.0962583	0.449141	1
XLOC_009111	CCDC103	chr17:42977079-42981047	1.63955	2.23841	0.449172	0.54836
XLOC_017578	FAM173B	chr5:10225619-10250021	1.50342	2.05269	0.449262	0.44926
XLOC_010131	LDLRAD4	chr18:13218728-13652753	0.0417231	0.057026	0.450773	1
XLOC_014375	C21orf67	chr21:46353198-46359828	1.3137	1.79583	0.451008	0.684216
XLOC_004317	CDCA5	chr11:64844926-64851615	29.9833	40.9905	0.451128	0.19024
XLOC_006291	LRRRC16B	chr14:24521205-24538937	0.349949	0.478441	0.451193	0.653588
XLOC_023114	TOR1A	chr9:132575220-132586441	38.1771	52.1962	0.451238	0.184817
XLOC_006341	LRR1	chr14:50065414-50081390	14.4824	19.8045	0.451522	0.326259
XLOC_017087	GUSBP1	chr5:21459588-21589481	2.54839	3.48567	0.45185	0.527665
XLOC_012614	CPO	chr2:207804277-207834198	0.0165914	0.0227032	0.452465	1
XLOC_009424	CAMTA2	chr17:4871286-4890960	18.8482	25.794	0.452606	0.174582
XLOC_020542	LINC00035	chr7:73149398-73150330	0.323447	0.442669	0.452696	0.914837
XLOC_003638	KLC2	chr11:66024764-66035332	32.5333	44.5271	0.452765	0.183133
XLOC_023298	SAT1	chrX:23801274-23804327	120.731	165.263	0.452966	0.200495
XLOC_011519	ABHD8	chr19:17402939-17414282	9.16493	12.5471	0.453158	0.345931

XLOC_010665	C19orf44	chr19:16607204-16653263	1.83957	2.51891	0.453432	0.85617
XLOC_012993	LBX2	chr2:74724643-74734821	5.9147	8.10354	0.454248	0.811883
XLOC_017246	LNPEP	chr5:96271345-96365115	0.504584	0.691321	0.45426	0.532767
XLOC_020929	CCZ1B	chr7:6838565-6865926	6.53138	8.95258	0.454917	0.292741
XLOC_016311	DANCR	chr4:53578620-53580305	93.1867	127.75	0.455125	0.184545
XLOC_021288	SLC13A1	chr7:122753587-122840025	0.0354406	0.0485951	0.455408	1
XLOC_011253	LOC100131691	chr19:59070552-59086164	0.292778	0.401567	0.45583	0.954421
XLOC_012120	FAM179A	chr2:29204163-29275096	0.0150909	0.0207108	0.456703	1
XLOC_013809	ANGPT4	chr20:853296-896960	0.0154664	0.0212305	0.456998	1
XLOC_004850	SLC4A8	chr12:51745832-51909547	1.32061	1.81313	0.457274	0.744399
XLOC_012530	HOXD4	chr2:177016112-177017949	0.775562	1.06496	0.457479	0.757021
XLOC_004570	H2AFX	chr11:118964584-118966177	155.996	214.219	0.457571	0.171625
XLOC_022877	LOC100507299	chr9:72658496-72873790	0.0274478	0.0376959	0.457716	1
XLOC_012083	EPT1	chr2:26531040-26618759	3.75028	5.15071	0.457776	0.204123
XLOC_004372	CPT1A	chr11:68522087-68609399	9.24182	12.6934	0.457827	0.190837
XLOC_021095	TYW1B	chr7:72023728-72298813	0.99896	1.37214	0.457926	0.492049
XLOC_008657	HYDIN	chr16:70841286-71264625	0.0953479	0.131041	0.458741	1
XLOC_013984	STK4-AS1	chr20:43592439-43595099	0.053133	0.0730235	0.458754	1
XLOC_003852	CXCR5	chr11:118754474-118781613	0.0103692	0.0142517	0.458823	1
XLOC_000480	SAMD13	chr1:84764048-84816481	0.196826	0.270531	0.458875	1
XLOC_009912	ERN1	chr17:62120389-62207502	0.153564	0.211113	0.45917	1
XLOC_011034	BCL2L12	chr19:50162825-50177173	39.3555	54.1121	0.459384	0.516809
XLOC_003722	DGAT2	chr11:75479777-75512581	5.24671	7.21597	0.459779	0.296434
XLOC_006810	NID2	chr14:52471519-52535946	0.0488811	0.0672307	0.459844	1
XLOC_006953	SERPINA1	chr14:94843083-94857029	0.0331359	0.0455837	0.460123	1
XLOC_022931	IARS	chr9:94972489-95056038	71.3824	98.1999	0.460154	0.188839
XLOC_018532	AIG1	chr6:143382022-143661441	29.457	40.5476	0.461005	0.190837
XLOC_011707	CNFN	chr19:42891170-42894444	4.44144	6.11502	0.461328	0.701834
XLOC_007657	CLN6	chr15:68499329-68522080	47.8525	65.8863	0.461384	0.177708
XLOC_022185	LRRC6	chr8:133584200-133687863	0.730789	1.00648	0.461787	0.601765
XLOC_021633	RDH10	chr8:74206836-74237520	4.23756	5.83625	0.461808	0.244917
XLOC_009447	SLC16A11	chr17:6944948-6947242	0.279495	0.384944	0.461825	0.864689
XLOC_018562	MYCT1	chr6:153019029-153045715	0.0293817	0.0404675	0.461846	1
XLOC_007314	COMMD4	chr15:75628373-75632614	114.323	157.5	0.462233	0.172992
XLOC_002792	KLF6	chr10:3818187-3827473	7.67627	10.5783	0.462633	0.199834
XLOC_018764	LY6G5C	chr6:31644460-31648150	2.17421	2.99639	0.462736	0.642563
XLOC_006367	RPL13AP3	chr14:56232962-56234435	0.0155943	0.0214957	0.463028	1
XLOC_004746	EMP1	chr12:13349601-13369708	52.6789	72.6454	0.463647	0.170772
XLOC_007407	FES	chr15:91427664-91439006	0.496728	0.685038	0.463729	0.67336
XLOC_011971	SHISA7	chr19:55940104-55954230	0.00472938	0.00652257	0.463789	1
XLOC_022410	IDNK	chr9:86237963-86259045	2.95067	4.07077	0.464259	0.515283
XLOC_000024	ATAD3C	chr1:1385068-1405538	0.138928	0.191733	0.464764	1
XLOC_018056	HIVEP1	chr6:12012723-12165232	0.213418	0.294553	0.464846	1
XLOC_008815	SPEM1	chr17:7323678-7324951	0.47116	0.650288	0.464862	0.810757
XLOC_004571	DPAGT1	chr11:118967212-118972785	22.1973	30.6378	0.46493	0.175696
XLOC_018870	USP49	chr6:41765382-41863099	0.0933221	0.128811	0.464965	1
XLOC_007261	ZWILCH	chr15:66797430-66857835	4.20049	5.80026	0.46556	0.248596
XLOC_013931	EIF2S2	chr20:32676114-32700085	89.3594	123.408	0.465746	0.185703
XLOC_014757	LIF	chr22:30636435-30642840	23.6235	32.6259	0.465794	0.171625

XLOC_010381	NARS	chr18:55267893-55289177	42.9541	59.3331	0.466042	0.190837
XLOC_022346	CCIN	chr9:36169388-36171331	0.013487	0.0186305	0.466098	1
XLOC_010422	TPGS1	chr19:507496-519654	21.5814	29.8138	0.466189	0.385184
XLOC_018519	TNFAIP3	chr6:138144806-138204451	0.531505	0.734918	0.467501	0.553492
XLOC_002188	EPRS	chr1:220046618-220321383	21.5802	29.8418	0.467626	0.459894
XLOC_021800	SLC52A2	chr8:145582216-145584948	99.6701	137.85	0.467863	0.181992
XLOC_007747	HOMER2	chr15:83517728-83621476	0.186595	0.258105	0.468046	1
XLOC_005452	SMAGP	chr12:51632507-51664202	157.842	218.353	0.468183	0.359202
XLOC_017767	EPB41L4A	chr5:111498314-111755010	0.896586	1.24036	0.468243	0.428853
XLOC_001103	TRIM67	chr1:231298673-231357314	0.00306608	0.00424246	0.468509	1
XLOC_003706	PLEKHB1	chr11:73357222-73373864	0.0137822	0.0190746	0.468842	1
XLOC_003663	CABP4	chr11:67222817-67229245	0.0117987	0.0163324	0.46911	1
XLOC_003597	SLC22A11	chr11:64323097-64338999	0.0140462	0.0194491	0.469517	1
XLOC_017640	C5orf28	chr5:43444353-43483992	2.97586	4.12196	0.470027	0.315828
XLOC_017711	ARSB	chr5:78073036-78282357	0.778874	1.07937	0.470723	0.588872
XLOC_008207	CLEC18A	chr16:69984607-69998250	0.157603	0.218416	0.470784	1
XLOC_004834	BCDIN3D-AS1	chr12:50222325-50236912	0.103508	0.143482	0.471128	1
XLOC_011483	DDX39A	chr19:14519609-14530195	58.9236	81.6827	0.471187	0.14872
XLOC_005134	CCDC64	chr12:120427647-120532299	1.23182	1.70775	0.471306	0.512522
XLOC_015795	PTPRG-AS1	chr3:61547242-62304622	0.00797325	0.0110564	0.471642	1
XLOC_021062	GRB10	chr7:50657759-50861159	7.58617	10.522	0.471963	0.197402
XLOC_002359	PTER	chr10:16478941-16564004	5.46409	7.57872	0.471972	0.225099
XLOC_007312	GOLGA6C	chr15:75550898-75565796	0.00349052	0.00484447	0.472896	1
XLOC_016451	ARHGEF38	chr4:106473776-106602070	0.00620221	0.00861064	0.473338	1
XLOC_013786	LIME1	chr20:62367977-62370460	5.92251	8.2251	0.473824	0.469274
XLOC_014604	SERHL2	chr22:42949924-42978017	0.0400369	0.055609	0.47399	1
XLOC_008668	TXNL4B	chr16:72118755-72146811	6.06219	8.42389	0.474648	0.765267
XLOC_005254	SCARNA12	chr12:7074514-7079916	9.1755	12.7508	0.474726	0.958876
XLOC_016864	H2AFZ	chr4:100869243-100871512	402.619	559.732	0.47532	0.162857
XLOC_007711	LINC00597	chr15:77400497-77712446	0.0118167	0.0164297	0.475477	1
XLOC_022495	TAL2	chr9:108424737-108425385	0.284645	0.395843	0.475766	0.877848
XLOC_008405	NAGPA	chr16:5074844-5092972	8.35008	11.6149	0.476114	0.267401
XLOC_002827	C10orf111	chr10:15137383-15146256	0.117712	0.163776	0.476465	1
XLOC_010667	NWD1	chr19:16830786-16928774	0.00309006	0.00430026	0.476788	1
XLOC_016719	APBB2	chr4:40812043-41216635	0.887331	1.23536	0.477384	0.315483
XLOC_003051	CPEB3	chr10:93808396-94050875	0.147962	0.206006	0.477459	1
XLOC_011463	DNASE2	chr19:12986024-12992335	38.4491	53.5405	0.477679	0.147598
XLOC_008088	ORC6	chr16:46723557-46732306	12.8457	17.8886	0.477756	0.199011
XLOC_021525	PTK2B	chr8:27168998-27316908	0.432016	0.601952	0.478564	0.570316
XLOC_009816	HOXB4	chr17:46652868-46655743	5.40786	7.53544	0.478634	0.334498
XLOC_016545	LRAT	chr4:155665162-155674270	0.00380973	0.00530904	0.478764	1
XLOC_003736	LOC100506233	chr11:82783107-82784754	3.18831	4.44342	0.478878	0.536281
XLOC_021993	TCEA1	chr8:54879115-54935008	49.2464	68.6355	0.478938	0.14961
XLOC_013400	TM4SF20	chr2:228226873-228244022	0.00664061	0.00925555	0.479003	1
XLOC_000367	TSPAN1	chr1:46640748-46651634	0.307884	0.429148	0.479088	0.760439
XLOC_023754	GPR143	chrX:9693452-9734005	0.0183164	0.0255341	0.479289	1
XLOC_006888	ENTPD5	chr14:74433180-74486026	0.356884	0.497537	0.479349	0.687986
XLOC_012070	KLHL29	chr2:23608297-23931483	3.21894	4.48868	0.479707	0.276165
XLOC_009434	LOC728392	chr17:5402746-5404319	0.580007	0.808884	0.479863	0.745341

XLOC_003694	IL18BP	chr11:71709957-71823822	1.0773	1.50265	0.48008	0.931457
XLOC_012837	SLC5A6	chr2:27422454-27440046	17.5831	24.5318	0.48046	0.587086
XLOC_000504	EPHX4	chr1:92495532-92529093	5.68497	7.9317	0.480477	0.330262
XLOC_024007	RBM41	chrX:106305117-106362057	0.856157	1.19451	0.480477	0.489942
XLOC_006286	THTPA	chr14:23980968-24048009	10.1893	14.2246	0.481324	0.705202
XLOC_015171	PSMD6-AS2	chr3:63989697-64009686	0.158618	0.221437	0.48134	1
XLOC_009364	FAM101B	chr17:289770-295731	0.14846	0.207262	0.481381	1
XLOC_006944	C14orf142	chr14:93669236-93695561	5.98675	8.35996	0.481722	0.815686
XLOC_005582	BEST3	chr12:70047388-70093196	0.552485	0.771513	0.481754	0.589377
XLOC_014890	PKDREJ	chr22:46651559-46659219	0.0135542	0.0189306	0.481973	1
XLOC_020914	TNRC18	chr7:5346422-5463177	6.42859	8.98047	0.482289	0.153539
XLOC_018560	CCDC170	chr6:151815174-151942328	0.0243922	0.0340758	0.482324	1
XLOC_023316	GK	chrX:30671475-30749577	1.1282	1.57609	0.482326	0.358175
XLOC_008889	LRRC48	chr17:17876126-17920189	0.235512	0.329045	0.482487	1
XLOC_010995	KCNJ14	chr19:48958963-48969367	0.561112	0.784238	0.483003	0.59805
XLOC_009592	CORO6	chr17:27920526-27948441	0.0138212	0.0193178	0.483046	1
XLOC_002823	FAM107B	chr10:14560558-14816896	6.94309	9.70867	0.483696	0.176195
XLOC_006932	GPR68	chr14:91698875-91720224	0.312061	0.436421	0.483889	0.695113
XLOC_018269	CDKN1A	chr6:36644236-36655116	71.8797	100.557	0.484355	0.129711
XLOC_014329	BRWD1-IT2	chr21:40685860-40686888	0.587101	0.82138	0.484439	0.783706
XLOC_021033	PGAM2	chr7:44102325-44105186	0.975708	1.3651	0.484487	0.747083
XLOC_006455	JDP2	chr14:75894508-75939404	6.28199	8.79144	0.484877	0.187362
XLOC_018251	UHRF1BP1	chr6:34759793-34845291	2.87821	4.02935	0.485375	0.163304
XLOC_017762	HP07349	chr5:108063525-108063962	2.53719	3.55231	0.485523	0.776116
XLOC_008324	NARFL	chr16:779768-790997	11.149	15.6103	0.485574	0.201968
XLOC_021211	ZCWPW1	chr7:99998494-100031749	1.53611	2.15108	0.485778	0.916584
XLOC_000183	GRHL3	chr1:24645811-24741587	0.0218247	0.0305871	0.486959	1
XLOC_024173	TREX2	chrX:152710177-152711945	0.440306	0.617099	0.486995	0.810183
XLOC_022284	LURAP1L	chr9:12775011-12823059	2.74783	3.85176	0.487227	0.371058
XLOC_011037	ADM5	chr19:50191941-50194247	2.53175	3.54929	0.487397	0.480199
XLOC_007606	SLTM	chr15:59171243-59225852	7.73116	10.8387	0.487431	0.161211
XLOC_011992	ZNF550	chr19:58058342-58067725	0.275719	0.386624	0.487733	0.800869
XLOC_014470	GGT1	chr22:24979717-25024972	5.99678	8.41021	0.487953	0.524977
XLOC_021540	UBXN8	chr8:30601689-30624520	6.23177	8.74104	0.488163	0.254335
XLOC_001487	SLFNL1	chr1:41480261-41707815	0.0679205	0.0952823	0.488361	1
XLOC_021355	FLJ40852	chr7:141404137-141438030	0.0852394	0.119588	0.488486	1
XLOC_010232	SERPINB7	chr18:61420280-61472610	0.0285946	0.0401181	0.48851	1
XLOC_015906	HSPBAP1	chr3:122458843-122512666	5.63425	7.90644	0.488805	0.256339
XLOC_009473	HES7	chr17:8023907-8027410	11.3362	15.9094	0.48894	0.255234
XLOC_017125	ISL1	chr5:50668570-50690563	0.172068	0.241544	0.489305	1
XLOC_021879	LOC729732	chr8:12294521-12523120	1.11665	1.56759	0.489368	0.611201
XLOC_017539	TRIM41	chr5:180650262-180662808	9.81728	13.7832	0.489519	0.171388
XLOC_003061	SORBS1	chr10:97071529-97321171	0.167119	0.234654	0.489654	1
XLOC_014669	GGT3P	chr22:18761201-18779474	0.188567	0.264864	0.490176	1
XLOC_013440	HES6	chr2:239146907-239148681	131.009	184.084	0.490697	0.12245
XLOC_017587	FAM134B	chr5:16473146-16617167	0.434522	0.610924	0.491562	0.568843
XLOC_023852	WDR45	chrX:48932091-48958059	38.1579	53.6501	0.491601	0.127354
XLOC_014175	SH3BGR	chr21:40817796-40887433	3.68931	5.18886	0.492066	0.421781
XLOC_010534	MCOLN1	chr19:7587495-7598895	9.33938	13.141	0.492681	0.235798

XLOC_001190	RNF223	chr1:1007125-1009687	0.17746	0.249706	0.492738	1
XLOC_016877	CXXC4	chr4:105389462-105416058	0.00962548	0.0135448	0.492806	1
XLOC_010285	LAMA1	chr18:6941742-7117813	12.897	18.1499	0.492933	0.162455
XLOC_005301	TAS2R10	chr12:10977944-10978868	0.0259896	0.0365852	0.493328	1
XLOC_003231	NS3BP	chr11:779453-780755	1.55678	2.19179	0.493542	0.574857
XLOC_016955	SLC10A7	chr4:147175136-147443123	0.467488	0.658388	0.494008	0.523716
XLOC_008578	CRNDE	chr16:54952776-54963101	17.3144	24.3867	0.494121	0.233577
XLOC_004466	SNORA8	chr11:93465526-93465665	36.1784	50.9645	0.494363	0.773332
XLOC_006452	ZC2HC1C	chr14:75536298-75544799	0.145645	0.205175	0.494394	1
XLOC_007933	PMM2	chr16:8891669-8943194	18.3489	25.8499	0.494464	0.133573
XLOC_017098	TARS	chr5:33440801-33468196	49.7253	70.0685	0.494786	0.145411
XLOC_020915	FBXL18	chr7:5515427-5553399	1.56629	2.20873	0.495863	0.249717
XLOC_006658	LINC00638	chr14:105287537-105290055	0.251224	0.354333	0.496129	1
XLOC_011541	CERS1	chr19:18979360-19006953	0.0912189	0.128667	0.496233	1
XLOC_000310	EXO5	chr1:40974432-40982214	3.21527	4.53617	0.496534	0.281527
XLOC_013867	BFSP1	chr20:17474549-17539605	0.388923	0.548765	0.496701	0.655692
XLOC_007645	TIPIN	chr15:66629007-66649054	6.63644	9.36523	0.496905	0.267401
XLOC_001747	LINC00622	chr1:120140324-120141914	0.150505	0.212466	0.49742	1
XLOC_004169	ACP2	chr11:47260852-47290584	8.92803	12.6046	0.497541	0.266662
XLOC_011330	LRG1	chr19:4537226-4540036	0.053071	0.0749355	0.497726	1
XLOC_004414	KLHL35	chr11:75133437-75141674	13.7413	19.4089	0.4982	0.241597
XLOC_005832	ATP5EP2	chr13:28519342-28519710	1.47528	2.08413	0.498454	0.804694
XLOC_008689	MAF	chr16:79627744-79634622	0.00886088	0.0125189	0.498592	1
XLOC_020971	HNRNPA2B1	chr7:26229555-26240413	145.078	205.026	0.498982	0.147372
XLOC_023084	SH2D3C	chr9:130500595-130541048	0.238315	0.336817	0.499095	1
XLOC_009026	LOC100131347	chr17:37213271-37307902	0.0590411	0.0834629	0.499414	1
XLOC_005067	EID3	chr12:104609556-104744085	0.225852	0.319289	0.499485	1
XLOC_003860	C2CD2L	chr11:118978092-118987827	6.31695	8.93365	0.500021	0.212084
XLOC_024009	TSC22D3	chrX:106956451-107019017	11.7268	16.5857	0.500134	0.215636
XLOC_002310	SH3BP5L	chr1:249104650-249120154	88.269	124.893	0.500712	0.132239
XLOC_003446	FAM180B	chr11:47608229-47610746	0.0335223	0.047465	0.501744	1
XLOC_010488	TJP3	chr19:3708334-3761673	0.507789	0.718999	0.501761	0.883608
XLOC_006217	LIG4	chr13:108859791-108870716	0.984657	1.39425	0.501792	0.361509
XLOC_022053	HEY1	chr8:80676244-80680098	2.85651	4.04535	0.502009	0.342126
XLOC_009201	GDPD1	chr17:57297827-57353330	3.49475	4.94965	0.502138	0.274812
XLOC_017565	FLJ33360	chr5:6310553-6337405	0.040019	0.0566921	0.50246	1
XLOC_015039	ZNF620	chr3:40547529-40559712	0.504598	0.71483	0.502465	0.557876
XLOC_006317	AKAP6	chr14:32798478-33302268	0.0102508	0.0145225	0.50255	1
XLOC_021589	RGS20	chr8:54764367-54871863	0.0964266	0.13661	0.502556	1
XLOC_022573	C9orf117	chr9:130469270-130477936	0.479071	0.678938	0.503041	0.967295
XLOC_006026	SKA3	chr13:21727733-21753220	10.1046	14.3354	0.504569	0.512614
XLOC_013477	NRSN2	chr20:327369-335512	0.249847	0.354474	0.504635	1
XLOC_010968	C5AR1	chr19:47813103-47825327	0.383319	0.543874	0.504727	0.676958
XLOC_018448	SLC16A10	chr6:111408780-111544606	1.20474	1.70966	0.504984	0.422315
XLOC_023048	GGTA1P	chr9:124217318-124262306	0.143262	0.203306	0.504997	1
XLOC_011790	ZC3H4	chr19:47567446-47617009	6.01446	8.53887	0.505611	0.152767
XLOC_014831	CBX6	chr22:39260247-39268258	5.72607	8.1316	0.505994	0.215259
XLOC_022908	C9orf153	chr9:88835179-88874572	0.0335652	0.047672	0.506176	1
XLOC_013851	LRRN4	chr20:6021191-6034726	1.28931	1.83278	0.507433	0.491102

XLOC_008933	TMEM199	chr17:26684686-26689089	7.15526	10.1748	0.507926	0.238551
XLOC_011991	ZNF772	chr19:57980953-57988938	0.00292247	0.00415634	0.508126	1
XLOC_017062	C5orf38	chr5:2752261-2755511	5.88678	8.3743	0.50849	0.495123
XLOC_004790	LOC100287314	chr12:30948614-30955645	5.40933	7.69561	0.508586	0.243499
XLOC_018867	TFEB	chr6:41651715-41703997	1.51753	2.15914	0.508734	0.473572
XLOC_021691	POP1	chr8:99129520-99172069	4.89227	6.96109	0.50881	0.156646
XLOC_016743	LNX1	chr4:54326436-54457753	0.121836	0.173373	0.508936	1
XLOC_010695	MPV17L2	chr19:18304039-18307550	14.1173	20.1019	0.509862	0.200193
XLOC_014762	KIAA1656	chr22:30727976-30773894	0.455004	0.647893	0.509876	0.922965
XLOC_008415	TVP23A	chr16:10837697-10912621	0.091793	0.130737	0.51021	1
XLOC_013765	NTSR1	chr20:61340188-61394123	7.63981	10.8811	0.510215	0.165955
XLOC_013768	COL9A3	chr20:61448413-61493115	19.7444	28.1235	0.510334	0.248957
XLOC_012717	SCARNA6	chr2:234160216-234204320	0.238421	0.339609	0.510362	1
XLOC_022375	PTGER4P2-CDK2	chr9:66494268-66503030	0.0544266	0.0775374	0.510581	1
XLOC_004242	PTGDR2	chr11:60609428-60623444	0.906672	1.29193	0.510874	0.921553
XLOC_018641	C6orf52	chr6:10671650-10695030	1.66692	2.37585	0.511261	0.654639
XLOC_008919	MAP2K3	chr17:21187967-21218551	55.893	79.6653	0.511283	0.117237
XLOC_022795	KIF24	chr9:34179002-34329198	0.604069	0.861025	0.511343	0.821611
XLOC_000898	PAPPA2	chr1:176432306-176811970	0.0257215	0.0366821	0.512103	1
XLOC_008027	LAT	chr16:28996146-29002104	0.854918	1.22005	0.513087	0.617863
XLOC_000342	ATP6V0B	chr1:44440601-44443972	160.991	229.755	0.513115	0.0956889
XLOC_003702	P2RY2	chr11:72929343-72947395	0.554832	0.792207	0.513827	0.592155
XLOC_022418	CTSL1	chr9:90340973-90346384	115.309	164.664	0.514024	0.126915
XLOC_016745	CHIC2	chr4:54875957-54930815	18.9659	27.0949	0.514619	0.17963
XLOC_014311	RCAN1	chr21:35888783-35987382	10.8212	15.4653	0.515173	0.15329
XLOC_015683	CDC25A	chr3:48198667-48229801	5.09371	7.2808	0.515382	0.147372
XLOC_011003	PPP1R15A	chr19:49375648-49379319	186.023	265.915	0.515478	0.137267
XLOC_003895	ROBO3	chr11:124735304-124751370	2.59673	3.71217	0.515566	0.234378
XLOC_010532	C19orf45	chr19:7562444-7573336	0.639296	0.914196	0.516018	0.690706
XLOC_018201	APOM	chr6:31606804-31625987	3.63587	5.19953	0.516082	0.960217
XLOC_005490	NPFF	chr12:53900473-53901422	1.24319	1.77881	0.516868	0.727839
XLOC_005243	CHD4	chr12:6679247-6716551	16.5634	23.7034	0.517101	0.107565
XLOC_001887	GBA	chr1:155204238-155214653	14.2223	20.3606	0.517623	0.112663
XLOC_008601	SLC38A7	chr16:58700297-58718674	1.92317	2.75321	0.517626	0.355674
XLOC_023930	CITED1	chrX:71521487-71527037	11.8551	16.9737	0.517786	0.274969
XLOC_009090	NBR2	chr17:41277599-41297125	1.85153	2.65128	0.517975	0.500835
XLOC_014891	CN5H6.4	chr22:46691039-46692557	0.115837	0.16588	0.518038	1
XLOC_009788	SPATA32	chr17:43325302-43394414	0.0457762	0.0655618	0.518259	1
XLOC_018213	C2	chr6:31865561-31913449	0.113282	0.162257	0.518364	1
XLOC_020424	ZNRF2	chr7:30323922-30407308	1.11358	1.59554	0.518847	0.416068
XLOC_005295	MAGOHB	chr12:10756363-10766208	3.29135	4.71595	0.518869	0.203478
XLOC_014770	DUSP18	chr22:31058038-31063872	0.379916	0.544358	0.518875	0.638761
XLOC_008708	C16orf74	chr16:85741123-85784689	56.1511	80.4666	0.519076	0.126213
XLOC_022525	PAPPA	chr9:118916070-119164600	0.00324346	0.00464882	0.519333	1
XLOC_013586	MYLK2	chr20:30407177-30422500	0.388075	0.556227	0.519339	0.637294
XLOC_000306	ZMPSTE24	chr1:40723721-40759856	7.04542	10.0998	0.519571	0.138406
XLOC_022601	DOLPP1	chr9:131843382-131852717	15.8677	22.7535	0.519996	0.128985
XLOC_018111	BTN2A3P	chr6:26421618-26430816	0.252597	0.362355	0.520564	1
XLOC_023845	SLC35A2	chrX:48760458-48769235	15.4393	22.1567	0.521139	0.161367

XLOC_010849	ZFP36	chr19:39897486-39900052	12.6911	18.2239	0.522014	0.189056
XLOC_022063	SLC10A5	chr8:82605890-82607207	0.962961	1.38293	0.522179	0.570626
XLOC_004097	TPH1	chr11:18042083-18062335	0.0082667	0.0118739	0.522413	1
XLOC_001762	PFN1P2	chr1:144610814-144612727	0.317326	0.45606	0.523258	0.680305
XLOC_001362	RCAN3AS	chr1:24822822-24863510	0.179673	0.258277	0.523543	1
XLOC_013514	PRNP	chr20:4666796-4682234	29.9232	43.0325	0.524163	0.0952042
XLOC_006851	ESR2	chr14:64693750-64805268	0.0470583	0.0676956	0.524611	1
XLOC_022035	NCOA2	chr8:71024266-71316020	0.252271	0.3631	0.525394	1
XLOC_001838	LCE1C	chr1:152777310-152779107	0.128561	0.185121	0.526012	1
XLOC_007388	ISG20	chr15:89182038-89198879	51.6603	74.4154	0.526546	0.103973
XLOC_003612	FRMD8	chr11:65154040-65180995	10.6242	15.3118	0.527295	0.125565
XLOC_011795	KPTN	chr19:47978399-47987521	3.5452	5.11007	0.527476	0.359736
XLOC_004549	PCSK7	chr11:117075787-117102811	7.71016	11.1166	0.527888	0.120157
XLOC_000892	GAS5-AS1	chr1:173832385-173837125	0.698763	1.00767	0.52815	0.948523
XLOC_008294	LOC100287036	chr16:89334028-89556969	0.155918	0.224853	0.528191	1
XLOC_022886	TRPM6	chr9:77337410-77503010	0.0454577	0.0655814	0.528761	1
XLOC_016110	LPP-AS2	chr3:187868993-188608460	0.362682	0.523246	0.528784	0.930048
XLOC_007940	RMI2	chr16:11439310-11445617	5.86235	8.45874	0.528963	0.270059
XLOC_020521	TPST1	chr7:65670258-65825438	2.39593	3.46092	0.530567	0.303947
XLOC_001448	STK40	chr1:36805224-36851485	13.1466	18.9988	0.531224	0.116756
XLOC_002743	HMX3	chr10:124895566-124897247	0.559686	0.80889	0.531326	0.826624
XLOC_020630	ZNF789	chr7:99070514-99085217	3.35537	4.84951	0.531367	0.433748
XLOC_014977	KCNH8	chr3:19190016-19577135	0.0642631	0.0929156	0.53193	1
XLOC_011436	CCDC151	chr19:11531271-11545980	0.573026	0.828656	0.532173	0.628907
XLOC_013589	CCM2L	chr20:30598244-30619984	0.0920542	0.133128	0.53226	1
XLOC_003550	FEN1	chr11:61560108-61564714	18.0994	26.1885	0.532991	0.100178
XLOC_018030	PSMG4	chr6:3259161-3268300	30.9711	44.8265	0.533432	0.204323
XLOC_001971	PFDN2	chr1:161070345-161102478	259.141	375.13	0.533653	0.249717
XLOC_003794	GRIA4	chr11:105480799-105852819	0.00258041	0.00373689	0.53424	1
XLOC_006033	C1QTNF9B	chr13:24304327-24471125	0.285715	0.413795	0.53434	0.948523
XLOC_003140	ZDHC6	chr10:114190057-114206672	13.3611	19.352	0.534447	0.107265
XLOC_008076	ARMC5	chr16:31470316-31478488	6.90715	10.0064	0.534767	0.179452
XLOC_015593	METTL6	chr3:15451376-15469042	3.63688	5.26897	0.534819	0.207155
XLOC_009143	NFE2L1	chr17:46125685-46138907	19.7699	28.6511	0.535285	0.100423
XLOC_017011	AGA	chr4:178351928-178363657	2.65711	3.85261	0.535981	0.25966
XLOC_016086	ABCC5	chr3:183637723-183735727	5.23832	7.59568	0.536075	0.24507
XLOC_013071	LONRF2	chr2:100889752-100939195	0.00116253	0.00168577	0.536136	1
XLOC_002504	SGPL1	chr10:72575703-72640932	6.31828	9.16824	0.537113	0.0991523
XLOC_015327	H1FX-AS1	chr3:129033613-129043412	0.342787	0.497689	0.537932	0.964843
XLOC_009667	IKZF3	chr17:37913967-38020441	0.0130824	0.0189996	0.538342	1
XLOC_011308	DOHH	chr19:3490818-3500938	16.5145	23.9879	0.538569	0.153539
XLOC_022722	GLDC	chr9:6532463-6645692	0.0156856	0.0227875	0.538807	1
XLOC_013146	CCDC74B	chr2:130887195-130902707	1.06355	1.54524	0.53894	0.600595
XLOC_001334	SH2D5	chr1:21046224-21059133	0.55196	0.802366	0.539696	0.516809
XLOC_014598	WBP2NL	chr22:42394728-42424477	0.00647393	0.00941275	0.539974	1
XLOC_008373	PRSS22	chr16:2902727-2908171	10.3567	15.0582	0.539991	0.230528
XLOC_000299	KIAA0754	chr1:39547088-39952810	0.251932	0.366519	0.540852	1
XLOC_003415	SEC14L1P1	chr11:43902356-43942494	0.222718	0.324048	0.540988	1
XLOC_022706	FOXO4	chr9:116230-118417	0.876968	1.27602	0.541059	0.585281

XLOC_022895	GNAQ	chr9:80335190-80646219	0.659931	0.960395	0.541313	0.504688
XLOC_012817	TP53I3	chr2:24300302-24308085	12.8375	18.6974	0.54247	0.155397
XLOC_013715	CEBPB	chr20:48807119-48809227	94.6599	137.924	0.543045	0.109797
XLOC_001200	MXRA8	chr1:1288070-1293915	0.449813	0.655681	0.543668	0.701787
XLOC_001423	FAM229A	chr1:32826870-32827844	2.15748	3.14569	0.544032	0.703707
XLOC_023708	SNORA70	chrX:153626570-153650063	65.2979	95.2094	0.544067	0.944374
XLOC_016337	STAP1	chr4:68424445-68472616	0.00884467	0.0129002	0.544517	1
XLOC_022110	SNORA72	chr8:99053937-99057818	15.8514	23.1392	0.545729	0.955641
XLOC_022773	MOB3B	chr9:27325206-27529850	0.414279	0.604873	0.546029	0.376879
XLOC_017390	RELL2	chr5:141016516-141030986	6.15733	8.99259	0.546433	0.644084
XLOC_005399	SLC38A1	chr12:46576840-46663208	27.7603	40.5764	0.547618	0.0981523
XLOC_006295	FITM1	chr14:24600674-24602058	0.862991	1.26166	0.547902	0.716687
XLOC_007928	NAGPA-AS1	chr16:5074844-5092972	0.0366658	0.053609	0.548042	1
XLOC_018569	ZDHHC14	chr6:157802556-158094977	1.459	2.13333	0.548127	0.398652
XLOC_008586	MT1G	chr16:56700652-56701977	0.547853	0.801085	0.548168	0.883324
XLOC_017721	LOC100131067	chr5:80256507-81047072	1.18373	1.73178	0.548909	0.869473
XLOC_022445	PTPDC1	chr9:96793075-96872138	1.40995	2.06275	0.548919	0.239825
XLOC_021551	EIF4EBP1	chr8:37888019-37917883	312.476	457.24	0.549206	0.0836901
XLOC_018054	SMIM13	chr6:11094265-11138969	2.50353	3.66429	0.549571	0.141482
XLOC_011408	OLFM2	chr19:9964393-10047070	0.0531437	0.0777873	0.549637	1
XLOC_022863	LOC440896	chr9:69174213-69181041	0.138475	0.202719	0.549855	1
XLOC_020459	HECW1	chr7:43152197-43602938	0.060919	0.0891877	0.549951	1
XLOC_011845	FUZ	chr19:50270179-50316567	2.05035	3.00204	0.550072	0.902819
XLOC_019043	TUBE1	chr6:112391859-112423993	7.32614	10.7275	0.550192	0.441956
XLOC_016652	CRMP1	chr4:5822490-5894785	2.46234	3.60614	0.550425	0.246893
XLOC_014409	CDC45	chr22:19467413-19508135	14.2591	20.8981	0.551481	0.106011
XLOC_009922	LRRRC37A3	chr17:62850487-62914903	0.054253	0.0795551	0.552251	1
XLOC_001974	ADAMTS4	chr1:161159537-161168845	0.0144926	0.021252	0.552285	1
XLOC_001854	S100A4	chr1:153516094-153518282	0.419204	0.61476	0.55237	0.82411
XLOC_016305	SLC10A4	chr4:48485359-48491541	0.0104507	0.0153267	0.552454	1
XLOC_023299	CXorf58	chrX:23926122-23957624	0.0220429	0.0323484	0.553379	1
XLOC_011671	FCGBP	chr19:40353962-40440533	0.0401431	0.0589119	0.553406	1
XLOC_023833	CFP	chrX:47483611-47489704	0.282221	0.414223	0.55358	0.727839
XLOC_012953	FBXO48	chr2:68689504-68694390	0.124241	0.182505	0.55479	1
XLOC_015653	SNRK-AS1	chr3:43328003-43393454	0.227378	0.334183	0.555549	1
XLOC_008469	RRN3P3	chr16:22430866-22503541	0.661328	0.971983	0.555566	0.565559
XLOC_010179	FHOD3	chr18:33877701-34805288	0.0288911	0.0424789	0.556117	1
XLOC_021769	PSCA	chr8:143751725-143764145	0.62373	0.917082	0.556128	0.712857
XLOC_017204	ZBED3-AS1	chr5:76372531-76444176	0.187663	0.276108	0.55709	1
XLOC_014846	CHADL	chr22:41601312-41636935	0.0929623	0.136787	0.55721	1
XLOC_000837	ATF6	chr1:161736033-161933860	7.43298	10.9442	0.558153	0.0741309
XLOC_010815	ZNF382	chr19:37096206-37119499	0.0782454	0.115238	0.558543	1
XLOC_014542	CDC42EP1	chr22:37956470-37965410	103.132	151.898	0.558614	0.0775493
XLOC_008089	GPT2	chr16:46918307-46965201	20.2862	29.8815	0.558754	0.0650492
XLOC_011274	CIRBP-AS1	chr19:1267469-1274809	1.1491	1.69268	0.558807	0.961459
XLOC_001381	FAM46B	chr1:27331510-27339333	0.632638	0.932324	0.559451	0.551877
XLOC_016603	CYP4V2	chr4:187112673-187134617	1.00617	1.48319	0.559837	0.281986
XLOC_000820	NIT1	chr1:161070345-161102478	30.2828	44.6496	0.560148	0.6565
XLOC_015658	CDCP1	chr3:45123768-45187914	23.4065	34.5166	0.560383	0.0729664

XLOC_021935	FBXO16	chr8:28285925-28347835	0.672999	0.992962	0.561134	0.559245
XLOC_006875	ADAM21P1	chr14:70712469-70714518	0.00686953	0.0101362	0.561227	1
XLOC_014745	XBP1	chr22:29190547-29196560	55.0865	81.2988	0.561534	0.0897828
XLOC_002351	MCM10	chr10:13203553-13253104	3.31158	4.8878	0.561665	0.115592
XLOC_003821	BCO2	chr11:112046207-112089649	0.0164116	0.0242307	0.562122	1
XLOC_010829	SPINT2	chr19:38755097-38783254	2.07706	3.06767	0.562598	0.377162
XLOC_018645	ERVFRD-1	chr6:11094265-11138969	0.0216871	0.0320341	0.562773	1
XLOC_002085	GLRX2	chr1:193065594-193075244	17.9099	26.4625	0.563189	0.155609
XLOC_016159	ZNF876P	chr4:206388-249773	0.073524	0.108651	0.56342	1
XLOC_000642	ITGA10	chr1:145524989-145543868	0.0877083	0.129639	0.563713	1
XLOC_000494	LMO4	chr1:87794150-87814607	4.42098	6.53716	0.564299	0.104553
XLOC_007525	SPTBN5	chr15:42120282-42186275	0.0205837	0.0304798	0.566347	1
XLOC_000188	CLIC4	chr1:25071759-25170815	21.057	31.1906	0.566816	0.0660778
XLOC_022394	ANXA1	chr9:75766780-75785307	243.648	360.937	0.566947	0.0732377
XLOC_014717	VPREB3	chr22:24094929-24096630	0.499455	0.74045	0.568048	0.83199
XLOC_009758	BRCA1	chr17:41196311-41277500	3.36791	4.99454	0.568498	0.112565
XLOC_008522	ZNF688	chr16:30581018-30583728	5.26147	7.80311	0.568583	0.314288
XLOC_017699	GCNT4	chr5:74323288-74326724	0.0215706	0.0319927	0.568677	1
XLOC_023851	PRAF2	chrX:48928817-48931662	2.55257	3.7867	0.568987	0.414529
XLOC_004171	SPI1	chr11:47376408-47400127	0.0750841	0.111437	0.569648	1
XLOC_011583	LOC400684	chr19:32880955-32896445	1.37358	2.04027	0.57082	0.61844
XLOC_001176	ZNF672	chr1:249132529-249143714	146.299	217.326	0.570943	0.0603207
XLOC_014727	ADORA2A-AS1	chr22:24823529-24890783	0.0327289	0.0486416	0.571627	1
XLOC_024207	CLIC2	chrX:154505499-154563986	0.0880687	0.130911	0.57189	1
XLOC_010494	ANKRD24	chr19:4183350-4224811	0.203171	0.302189	0.572754	1
XLOC_021453	CLDN23	chr8:8559665-8561617	0.632852	0.942017	0.573884	0.59244
XLOC_004480	CCDC82	chr11:96085928-96123083	1.86078	2.7715	0.574758	0.20647
XLOC_003986	OR7E12P	chr11:3402190-3430378	0.0327213	0.0487422	0.574941	1
XLOC_020862	ASIC3	chr7:150745378-150749843	1.05351	1.56935	0.574968	0.492403
XLOC_001655	FAM69A	chr1:93297593-93427079	1.64813	2.45699	0.576063	0.894866
XLOC_000486	CYR61	chr1:86046443-86049648	186.467	278.024	0.576286	0.0712966
XLOC_005059	DRAM1	chr12:102271104-102317401	6.38385	9.52013	0.576555	0.0916618
XLOC_004569	HYOU1	chr11:118914895-118927925	20.5498	30.6519	0.576851	0.0592362
XLOC_004402	UCP3	chr11:73711325-73720282	0.16884	0.251974	0.577623	1
XLOC_001759	LINC00623,LOC7:	chr1:144300511-144341755	0.606338	0.905287	0.578252	0.613115
XLOC_016574	CLCN3	chr4:170541671-170644338	5.9679	8.91536	0.57907	0.0676413
XLOC_020358	CCZ1	chr7:5938340-5965603	8.61971	12.8787	0.579276	0.109797
XLOC_020632	ZNF655	chr7:99156044-99174076	20.5737	30.7545	0.580001	0.232659
XLOC_016588	TENM3	chr4:183245136-183724177	0.145553	0.217639	0.580395	1
XLOC_005584	PTPRR	chr12:71031852-71314584	0.262986	0.393417	0.58107	0.518305
XLOC_010760	CEBPG	chr19:33864574-33873592	18.3624	27.4713	0.581174	0.0644552
XLOC_017310	SLC22A4	chr5:131630144-131731306	0.303051	0.453522	0.581614	0.890489
XLOC_021410	XRCC2	chr7:152343586-152373250	0.741597	1.11	0.58185	0.359202
XLOC_003321	TMEM9B-AS1	chr11:8986221-8997830	0.330602	0.494893	0.582021	0.742651
XLOC_008026	SPNS1	chr16:28986095-28995869	23.9896	35.9196	0.582361	0.0741309
XLOC_016965	TIGD4	chr4:153690505-153700916	0.0988153	0.147981	0.582608	1
XLOC_019131	STXBP5-AS1	chr6:147162524-147711612	0.0173174	0.0259361	0.582737	1
XLOC_007267	SKOR1	chr15:68112041-68126174	0.373363	0.559241	0.582892	0.648569
XLOC_000256	FAM167B	chr1:32712817-32714461	0.695147	1.04164	0.583463	0.692701

XLOC_023507	PCDH11X	chrX:91034259-91878228	0.00304189	0.00455904	0.583762	1
XLOC_012605	NRP2	chr2:206547223-206662857	0.83832	1.25657	0.583922	0.221487
XLOC_010716	YJEFN3	chr19:19639669-19648393	3.65041	5.47503	0.584808	0.463992
XLOC_010504	LOC100131094	chr19:4675243-4723855	0.263656	0.395447	0.584826	0.907138
XLOC_000626	PHGDH	chr1:120254418-120286849	113.191	169.93	0.586179	0.0647668
XLOC_014068	LINC00659	chr20:61405472-61408208	0.39942	0.599739	0.586427	0.798947
XLOC_016313	SNORA26	chr4:53578620-53580305	14.7129	22.0987	0.586878	0.953219
XLOC_005267	POU5F1P3	chr12:8276227-8291203	0.0469047	0.070476	0.587399	1
XLOC_010961	FKRP	chr19:47222767-47261832	3.13277	4.70747	0.587514	0.835405
XLOC_017884	SPINK1	chr5:147204142-147211260	0.105757	0.159055	0.588777	1
XLOC_017662	SLC38A9	chr5:54921672-55008163	4.12848	6.21008	0.589001	0.124445
XLOC_014525	LOC100506195	chr22:33669061-34316416	0.0144387	0.0217313	0.589837	1
XLOC_001792	HIST2H2BE	chr1:149856009-149858232	2.30375	3.46779	0.590031	0.281527
XLOC_000561	SARS	chr1:109756514-109780804	160.928	242.279	0.590258	0.0647668
XLOC_006314	AP4S1	chr14:31363004-31565656	0.617596	0.929933	0.590463	0.73942
XLOC_017289	PRDM6	chr5:122424840-122523745	0.046737	0.0704669	0.592382	1
XLOC_011937	OSCAR	chr19:54597932-54604148	2.05413	3.1007	0.594064	0.347606
XLOC_009376	SLC43A2	chr17:1477695-1532130	4.66496	7.04311	0.594348	0.147009
XLOC_017451	LOC285626	chr5:158758525-158789842	0.0106593	0.0160958	0.594567	1
XLOC_017887	SH3TC2	chr5:148361712-148442737	0.122086	0.184373	0.594726	1
XLOC_000783	NTRK1	chr1:156776034-156851642	0.0420964	0.0635752	0.594766	1
XLOC_007149	RAD51	chr15:40987326-41024356	6.64942	10.0473	0.595507	0.0904689
XLOC_003541	TMEM138	chr11:61066918-61136975	15.5339	23.4852	0.59633	0.819558
XLOC_014878	KIAA1644	chr22:44639556-44708731	0.0368517	0.0558117	0.598838	1
XLOC_005856	EXOSC8	chr13:37574677-37633850	31.9213	48.3683	0.599545	0.205834
XLOC_016270	STIM2	chr4:26862312-27027003	0.887883	1.34613	0.600378	0.207155
XLOC_016834	C4orf36	chr4:87797357-87813575	0.385651	0.584733	0.600482	0.74277
XLOC_013978	FITM2	chr20:42935196-42939889	0.825725	1.25476	0.603673	0.637294
XLOC_008153	GINS3	chr16:58426297-58440048	5.05072	7.67556	0.603785	0.123068
XLOC_000992	ZBED6	chr1:203764750-203823256	0.141979	0.215794	0.603978	1
XLOC_023859	LOC158572	chrX:49641326-49643959	0.0292566	0.0444862	0.604598	1
XLOC_013292	C2orf66	chr2:197669138-197675000	0.186519	0.283681	0.604946	1
XLOC_013746	TUBB1	chr20:57594308-57601709	0.0788151	0.119923	0.605568	1
XLOC_019170	LPAL2	chr6:160887586-160932156	0.203509	0.309706	0.605809	1
XLOC_023049	TTLL11	chr9:124584203-124855885	2.03857	3.10252	0.605883	0.33256
XLOC_023357	LOC100133957	chrX:47511190-47519776	1.83567	2.79654	0.60734	0.960032
XLOC_005954	MIR17,MIR17HG,l	chr13:92000073-92006829	4.41084	6.72018	0.607448	0.339765
XLOC_009501	MYH3	chr17:10531842-10560626	0.177887	0.271039	0.607536	1
XLOC_009772	ASB16-AS1	chr17:42248073-42264085	4.08727	6.23186	0.608525	0.294467
XLOC_012667	TMEM198	chr2:220408744-220415317	1.9953	3.04424	0.609476	0.334695
XLOC_021241	DPY19L2P2	chr7:102815461-102920913	0.0240729	0.0367448	0.610133	1
XLOC_011591	SCGB1B2P	chr19:35067637-35068596	0.267574	0.408428	0.610145	0.844936
XLOC_002165	LAMB3	chr1:209788217-209825820	84.1564	128.511	0.610742	0.0504359
XLOC_022825	HINT2	chr9:35812956-35815042	25.7514	39.3709	0.612475	0.0985099
XLOC_001715	KCND3	chr1:112318453-112531777	0.0832285	0.12725	0.612519	1
XLOC_009293	GALR2	chr17:74070891-74073573	0.334041	0.511094	0.613563	0.814411
XLOC_013677	PABPC1L	chr20:43538702-43567962	5.57172	8.52973	0.614378	0.125909
XLOC_010586	C19orf38	chr19:10959105-10980360	0.397736	0.609267	0.615263	0.703434
XLOC_001389	IFI6	chr1:27992571-27998724	2.96257	4.53923	0.615596	0.452059

XLOC_004393	PDE2A	chr11:72287183-72385497	0.0777029	0.119092	0.616034	1
XLOC_010146	CABLES1	chr18:20714527-20840434	1.42446	2.184	0.616556	0.172992
XLOC_013095	MALL	chr2:110841446-110874143	0.0448057	0.0687198	0.617044	1
XLOC_004315	BATF2	chr11:64755416-64764517	0.519079	0.796506	0.617732	0.5266
XLOC_012148	ARHGEF33	chr2:39146503-39202590	0.00999996	0.0153448	0.617752	1
XLOC_001462	YRDC	chr1:38268613-38275126	26.3519	40.4667	0.618829	0.14587
XLOC_001900	ARHGEF2	chr1:155916629-155948336	41.8509	64.2904	0.619347	0.0726643
XLOC_006468	SAMD15	chr14:77843761-77857587	0.0845561	0.129902	0.619444	1
XLOC_016131	XXYL1	chr3:194789012-194991895	3.15742	4.85338	0.620243	0.151906
XLOC_007346	KIAA1199	chr15:81071711-81243999	0.0479554	0.0737548	0.621042	1
XLOC_000858	RCSD1	chr1:167599473-167675486	0.0054563	0.00839385	0.621409	1
XLOC_000500	LRRRC8D	chr1:90286572-90401989	5.49986	8.46144	0.621507	0.0617671
XLOC_014471	BCRP3	chr22:25028881-25055114	0.210483	0.323951	0.622068	1
XLOC_005423	RND1	chr12:49250915-49259653	1.17453	1.80797	0.622291	0.41247
XLOC_003879	C11orf63	chr11:122753472-122830430	0.420256	0.647008	0.622516	0.499306
XLOC_005141	CABP1	chr12:121078421-121105127	1.35314	2.08481	0.62361	0.447714
XLOC_008649	LOC100506060	chr16:70253483-70259936	1.01452	1.56333	0.623822	0.388367
XLOC_020722	LMOD2	chr7:123295860-123304147	0.00677456	0.0104418	0.624174	1
XLOC_000137	PADI3	chr1:17575592-17610727	0.0109786	0.0169359	0.625398	1
XLOC_021071	PSPH	chr7:56078743-56119268	13.6637	21.0898	0.626196	0.0614148
XLOC_019048	FRK	chr6:116262692-116381921	0.0168287	0.0259757	0.626236	1
XLOC_016303	NIPAL1	chr4:48018790-48039080	0.106353	0.164183	0.626436	1
XLOC_019142	RAET1L	chr6:150341265-150346668	0.0224766	0.0347008	0.626546	1
XLOC_000930	TSEN15	chr1:184020810-184043344	11.6874	18.0446	0.626605	0.0603207
XLOC_012243	ALMS1P	chr2:73872045-73912694	0.0255604	0.0394686	0.626795	1
XLOC_008543	HERC2P4	chr16:32162608-32163874	0.891945	1.3781	0.627656	0.489185
XLOC_006414	ACTN1-AS1	chr14:69446398-69454180	0.0567545	0.0877097	0.628001	1
XLOC_013275	COL5A2	chr2:189896640-190044605	0.0303115	0.0468755	0.628971	1
XLOC_005233	AKAP3	chr12:4724675-4754343	0.208368	0.322285	0.629203	1
XLOC_018700	HIST1H2AJ	chr6:27782079-27782518	1.29913	2.00965	0.629401	0.765302
XLOC_016626	SLC26A1	chr4:972862-998317	0.384257	0.594512	0.629635	0.838861
XLOC_020959	FAM126A	chr7:22980877-23053770	0.0224853	0.0348009	0.630141	1
XLOC_021555	LETM2	chr8:38243958-38266062	2.78288	4.3091	0.630806	0.193396
XLOC_015958	RAB6B	chr3:133543079-133614691	0.346388	0.536396	0.630912	0.349708
XLOC_000200	CNKSR1	chr1:26503980-26516375	0.406631	0.629786	0.631141	0.525673
XLOC_021747	POU5F1B	chr8:128427856-128429441	0.962954	1.49205	0.631759	0.467025
XLOC_006052	SLC46A3	chr13:29274217-29293150	3.30384	5.11983	0.631954	0.111734
XLOC_008651	AARS	chr16:70286296-70323412	36.1117	55.9646	0.632049	0.0519269
XLOC_017432	SLC36A1	chr5:150827162-150871940	1.03028	1.59806	0.633291	0.162857
XLOC_015892	GPR156	chr3:119884327-119963142	0.00376403	0.0058464	0.635273	1
XLOC_021099	SPDYE8P	chr7:72476588-72519691	0.0156195	0.024267	0.635645	1
XLOC_005269	FAM86FP	chr12:8383644-8395542	1.90934	2.96649	0.635682	0.220227
XLOC_011373	FCER2	chr19:7753642-7767032	0.243141	0.377822	0.635915	0.676682
XLOC_021315	CEP41	chr7:130033611-130081051	1.25185	1.94683	0.637067	0.119294
XLOC_000560	KIAA1324	chr1:109656584-109749403	0.15838	0.246354	0.637347	1
XLOC_001870	C1orf189	chr1:154171561-154178841	0.135592	0.211133	0.638878	1
XLOC_004354	PTPRCAP	chr11:67202980-67205153	2.10224	3.27419	0.639212	0.490627
XLOC_022153	DSCC1	chr8:120846180-120868170	5.17007	8.05518	0.639731	0.0621442
XLOC_000835	FCRLB	chr1:161692456-161697933	0.418259	0.652203	0.640924	0.647696

XLOC_014044	MTRNR2L3	chr20:55904830-55998278	0.0771933	0.120439	0.641754	1
XLOC_009098	FAM215A	chr17:41994575-41995355	0.108695	0.170014	0.64537	1
XLOC_023164	CARD9	chr9:139258407-139268133	1.21451	1.90026	0.645816	0.378821
XLOC_000817	SLAMF7	chr1:160709076-160724601	0.311155	0.487112	0.646621	0.472023
XLOC_004269	LRRN4CL	chr11:62453873-62457371	0.113808	0.178398	0.648499	1
XLOC_000649	PDIA3P	chr1:146649429-146651528	1.16752	1.83033	0.648661	0.264777
XLOC_011437	ELAVL3	chr19:11562142-11591803	0.00467561	0.00733213	0.649077	1
XLOC_004304	PYGM	chr11:64513860-64528187	0.0556886	0.0873457	0.649354	1
XLOC_016081	LAMP3	chr3:182840002-182880667	0.751005	1.17817	0.649656	0.248913
XLOC_008731	ANKRD11	chr16:89334028-89556969	11.5578	18.1328	0.649732	0.156107
XLOC_007504	FSIP1	chr15:39892231-40075039	0.0257548	0.0404362	0.650808	1
XLOC_011370	PEX11G	chr19:7541755-7553924	2.81492	4.42019	0.651012	0.343575
XLOC_003267	LOC100506082	chr11:4208381-4223883	0.188514	0.296331	0.652534	1
XLOC_006267	RNASE7	chr14:21510384-21512392	0.0795821	0.125133	0.652941	1
XLOC_012862	NLRC4	chr2:32449517-32490812	0.226664	0.35657	0.653629	1
XLOC_004124	BDNF	chr11:27528398-27743605	0.0635628	0.100079	0.654885	1
XLOC_018578	C6orf99	chr6:159309618-159331385	0.462359	0.728153	0.655228	0.720426
XLOC_007680	STOML1	chr15:74275558-74286963	3.85346	6.07269	0.656181	0.139691
XLOC_006000	PROZ	chr13:113812967-113826698	0.121967	0.192215	0.656234	1
XLOC_009734	KLHL11	chr17:40009798-40021629	0.328483	0.518212	0.657724	0.492895
XLOC_014141	PAXBP1-AS1	chr21:34100424-34144169	0.0874325	0.137979	0.658205	1
XLOC_016999	MFAP3L	chr4:170907747-170947429	0.213206	0.336901	0.660076	1
XLOC_005116	CCDC42B	chr12:113587662-113623284	0.29636	0.468672	0.661229	0.945887
XLOC_011090	ZNF137P	chr19:53099936-53103405	0.228465	0.361381	0.661551	1
XLOC_018099	HIST1H2BD	chr6:26158348-26171576	8.04944	12.7362	0.661972	0.339092
XLOC_011832	C19orf73	chr19:49617617-49622397	1.81833	2.87717	0.662037	0.736823
XLOC_009157	FLJ45513	chr17:47915670-47926199	0.0665283	0.10527	0.662058	1
XLOC_013213	GALNT3	chr2:166604312-166650803	0.018023	0.0285328	0.662786	1
XLOC_011741	ZNF285	chr19:44889807-44905777	0.0114362	0.0181156	0.663629	1
XLOC_006968	BCL11B	chr14:99635624-99737822	0.121823	0.19302	0.663965	1
XLOC_008379	ZNF205-AS1	chr16:3160460-3170518	0.188391	0.298619	0.664579	1
XLOC_018058	PHACTR1	chr6:12717036-13295818	0.00648686	0.0103016	0.667276	1
XLOC_005666	SLC41A2	chr12:105197274-105322472	0.566338	0.89992	0.668133	0.258796
XLOC_021550	GPR124	chr8:37654400-37707431	0.0505228	0.0803166	0.668765	1
XLOC_008818	FGF11	chr17:7342688-7348251	1.69914	2.70198	0.669215	0.19024
XLOC_000629	SRGAP2D	chr1:121107151-121129827	0.197127	0.313729	0.670396	1
XLOC_008744	DBIL5P	chr17:655572-658576	0.204114	0.324895	0.670597	1
XLOC_021024	INHBA	chr7:41728600-41818976	0.0073396	0.011691	0.671163	1
XLOC_011328	PLIN4	chr19:4472254-4517716	0.189497	0.301873	0.671772	1
XLOC_020562	SPDYE5	chr7:75124298-75133628	0.107026	0.170538	0.67213	1
XLOC_010997	SULT2B1	chr19:49055428-49102684	0.0436392	0.0695374	0.672165	1
XLOC_018583	PNLDC1	chr6:160221300-160241735	0.0371623	0.0592761	0.673613	1
XLOC_012641	C2orf62	chr2:219221578-219232817	0.0584172	0.0931903	0.673787	1
XLOC_009987	QRICH2	chr17:74270129-74303761	0.84258	1.34548	0.675238	0.153369
XLOC_005979	METTL21EP	chr13:103532448-103548383	0.0134287	0.0214521	0.6758	1
XLOC_011602	SBSN	chr19:36014268-36019253	0.0471622	0.075369	0.676342	1
XLOC_008796	C17orf100	chr17:6555058-6556617	0.343763	0.54937	0.676366	0.59554
XLOC_004015	OR51B5	chr11:5362112-5526882	0.348749	0.557548	0.676905	0.686715
XLOC_009381	MIR22,MIR22HG	chr17:1614797-1619566	4.09903	6.56506	0.679525	0.139083

XLOC_013352	MARCH4	chr2:217122584-217236750	0.0109165	0.0174842	0.679535	1
XLOC_014949	HRH1	chr3:11178778-11304939	1.79451	2.87842	0.681688	0.0952042
XLOC_003867	LOC100499227	chr11:119252487-119369944	1.00682	1.61506	0.681781	0.390748
XLOC_012073	FKBP1B	chr2:24272583-24286550	0.0713634	0.114498	0.682071	1
XLOC_000123	SLC25A34	chr1:16062808-16067884	0.138357	0.222108	0.682865	1
XLOC_009051	KRTAP4-7	chr17:39240458-39241396	0.329971	0.530114	0.683963	0.72151
XLOC_010840	NFKBIB	chr19:39369194-39399534	21.2893	34.2109	0.684326	0.539268
XLOC_007421	LOC440311	chr15:95398591-95400293	0.251128	0.403674	0.684763	0.698819
XLOC_009124	KANSL1-AS1	chr17:44107281-44302740	0.629511	1.01389	0.687598	0.953159
XLOC_015501	MIR1248,SNORA1	chr3:186501360-186524484	5.09912	8.21279	0.687624	0.947261
XLOC_023291	YY2	chrX:21857655-21903541	0.7009	1.12893	0.687682	0.672486
XLOC_001052	SPATA17	chr1:217804694-218040484	0.246925	0.39798	0.688626	0.640604
XLOC_021463	SLC35G5	chr8:11188494-11189695	0.0198242	0.0319782	0.689822	1
XLOC_001478	BMP8B	chr1:40204516-40254533	0.648988	1.04707	0.690092	0.870963
XLOC_023359	ZNF81	chrX:47696300-47781655	0.107188	0.173188	0.692194	1
XLOC_003807	C11orf93	chr11:111164113-111179460	0.811771	1.31178	0.692376	0.511042
XLOC_007646	SCARNA14	chr15:66629007-66649054	27.981	45.2617	0.693841	0.957857
XLOC_021637	GDAP1	chr8:75262617-75279335	1.75641	2.85198	0.699338	0.0685533
XLOC_009677	KRT222	chr17:38811871-38821416	0.280113	0.454846	0.69937	0.513296
XLOC_014926	LMCD1	chr3:8543510-8609806	0.0432004	0.0701987	0.700398	1
XLOC_022380	CBWD3	chr9:70856838-70914932	0.291876	0.474487	0.701016	0.4913
XLOC_017979	DOK3	chr5:176928905-176937427	2.72868	4.43626	0.701144	0.153369
XLOC_023144	RNU6ATAC	chr9:137029561-137029686	37.7743	61.4133	0.701146	0.679486
XLOC_009797	ARL17A,ARL17B	chr17:44372496-44439163	0.143611	0.233492	0.701206	1
XLOC_022199	SLC45A4	chr8:142220869-142238673	4.17077	6.78927	0.702942	0.0637721
XLOC_008965	ADAP2	chr17:29248753-29286211	0.0528241	0.0860299	0.703641	1
XLOC_007655	IQCH-AS1	chr15:67493012-67819641	3.47835	5.6691	0.704715	0.905903
XLOC_013411	LOC348761	chr2:231849082-231860747	0.0714521	0.116477	0.70499	1
XLOC_004942	GLI1	chr12:57853917-57873633	0.271979	0.4435	0.705437	0.485845
XLOC_022515	C9orf43	chr9:116169517-116191879	0.398838	0.650928	0.706694	0.946416
XLOC_007797	CERS3	chr15:100940599-101084925	0.0263465	0.0430206	0.707419	1
XLOC_007600	MNS1	chr15:56657643-56757335	0.333772	0.545265	0.708093	0.538509
XLOC_007666	THAP10	chr15:71173680-71184772	0.84727	1.38428	0.708242	0.283034
XLOC_008383	MTRNR2L4	chr16:3421052-3422283	0.112601	0.184014	0.708602	1
XLOC_010717	CILP2	chr19:19649073-19657468	0.0608489	0.0994405	0.708603	1
XLOC_020347	AMZ1	chr7:2719162-2755069	0.00664331	0.0108575	0.70872	1
XLOC_000775	TSACC	chr1:156278751-156316785	0.52528	0.858623	0.708938	0.919777
XLOC_022536	PTGS1	chr9:125132808-125157982	0.00791973	0.0129478	0.709189	1
XLOC_010865	SPTBN4	chr19:40973125-41082365	0.109301	0.178705	0.709277	1
XLOC_007563	MYEF2	chr15:48413168-48470558	0.00342587	0.0056029	0.709704	1
XLOC_021182	MGC72080	chr7:97595907-97601638	15.0384	24.5958	0.70976	0.0844706
XLOC_017610	LMBRD2	chr5:36103413-36152015	0.285776	0.467471	0.70999	0.35231
XLOC_008643	TMED6	chr16:69377148-69385712	0.814097	1.33248	0.710836	0.47697
XLOC_003921	ST14	chr11:130029681-130080257	0.0108248	0.0177217	0.71118	1
XLOC_016690	KCNIP4	chr4:20730238-21950374	0.188268	0.308327	0.711672	1
XLOC_018794	HLA-DRB5	chr6:32485153-32498006	0.0233401	0.0382757	0.713615	1
XLOC_008221	MARVELD3	chr16:71660055-71675868	0.974598	1.59839	0.713739	0.241597
XLOC_002164	PLXNA2	chr1:208195587-208417665	0.358511	0.588053	0.713928	0.141952
XLOC_013037	ANKRD20A8P,LO	chr2:95421070-95522820	0.00448449	0.00735735	0.714241	1

XLOC_003198	FLJ46300	chr10:133604733-133622535	0.0078058	0.0128119	0.714864	1
XLOC_008740	PRDM7	chr16:90122973-90142338	0.0126029	0.0207169	0.717053	1
XLOC_006669	TMEM121	chr14:105992952-105996539	0.931912	1.53386	0.718902	0.562434
XLOC_023551	CLDN2	chrX:106143292-106174091	0.0194513	0.0320208	0.719143	1
XLOC_018402	C6orf163	chr6:88054570-88075181	0.181049	0.298271	0.720245	1
XLOC_015132	GPR62	chr3:51989329-52001482	0.0257744	0.04249	0.721184	1
XLOC_021501	PIWIL2	chr8:22132809-22213584	0.00593844	0.0097906	0.721313	1
XLOC_016707	TLR10	chr4:38773859-38784611	0.00506208	0.00834784	0.721674	1
XLOC_021362	TRPV6	chr7:142568959-142583490	0.00681264	0.0112348	0.721685	1
XLOC_001217	LOC100129534	chr1:2252695-2322993	0.632122	1.04324	0.722793	0.424204
XLOC_008374	PKMYT1	chr16:3019341-3030540	49.7659	82.1847	0.723712	0.0805827
XLOC_008600	SNORA50	chr16:58549382-58663790	6.43013	10.6227	0.724231	0.939948
XLOC_014649	LOC100144603	chr22:51021454-51022355	1.72436	2.85174	0.725779	0.559351
XLOC_000448	IL12RB2	chr1:67773046-67862583	0.0290778	0.0481238	0.726829	1
XLOC_017205	PDE8B	chr5:76506705-76724080	0.119998	0.19901	0.729832	1
XLOC_020784	TBXAS1	chr7:139478046-139720125	0.192362	0.319083	0.730102	1
XLOC_012052	C2orf50	chr2:11273178-11286916	0.0209248	0.0347301	0.730976	1
XLOC_002028	ANKRD45	chr1:173577474-173639001	0.00786653	0.0130601	0.731365	1
XLOC_015629	TRANK1	chr3:36868307-36986548	0.0294546	0.048948	0.732755	1
XLOC_013261	ZNF385B	chr2:180306710-180726232	0.0154433	0.0256817	0.733763	1
XLOC_022993	KLF4	chr9:110247132-110252047	4.10039	6.82461	0.734986	0.0508243
XLOC_006996	GPR132	chr14:105515736-105531754	0.00605242	0.0100844	0.736538	1
XLOC_000141	ACTL8	chr1:18081807-18153558	2.47678	4.13247	0.73854	0.154835
XLOC_012830	GPR113	chr2:26531040-26618759	0.0260517	0.0435362	0.740837	1
XLOC_015889	POPCD2	chr3:119360907-119379404	0.14448	0.241476	0.741011	1
XLOC_016413	ARHGAP24	chr4:86396283-86923823	0.0829722	0.138703	0.741295	1
XLOC_009052	KRTAP4-9	chr17:39261640-39262740	1.264	2.1135	0.741635	0.381661
XLOC_003988	CHRNA10	chr11:3686816-3692614	0.881956	1.47517	0.742103	0.361509
XLOC_012672	SGPP2	chr2:223289321-223423617	0.728817	1.21917	0.742267	0.459935
XLOC_005336	ARHGDI1	chr12:15094949-15114562	0.0270699	0.0452909	0.742533	1
XLOC_010687	SNORA68	chr19:17970686-17974133	22.9232	38.3751	0.743361	0.916694
XLOC_015125	RAD54L2	chr3:51575595-51697612	0.223514	0.374483	0.744532	0.351761
XLOC_001855	S100A3	chr1:153519808-153521734	6.28427	10.5324	0.745015	0.155867
XLOC_008352	NOXO1	chr16:2028917-2031550	0.389341	0.652566	0.745092	0.570298
XLOC_005235	VWF	chr12:6058039-6233836	0.00594387	0.00996981	0.746164	1
XLOC_008012	FLJ21408	chr16:27236314-27301789	0.0442223	0.0741895	0.74644	1
XLOC_006831	SLC35F4	chr14:58030639-58332592	0.0264373	0.0443575	0.746605	1
XLOC_011794	SLC8A2	chr19:47931278-47975307	0.0129616	0.0217535	0.747003	1
XLOC_018118	LINC00240	chr6:26924771-26991753	0.485595	0.815406	0.747765	0.691843
XLOC_014932	CPNE9	chr3:9745509-9771592	0.0681351	0.11442	0.747875	1
XLOC_005884	CPB2-AS1	chr13:46626982-46679211	0.00516056	0.00866728	0.748052	1
XLOC_005553	AVIL	chr12:58176527-58209852	0.195436	0.328361	0.748586	1
XLOC_022708	C9orf66	chr9:213107-465259	0.276194	0.464219	0.749126	0.713126
XLOC_023189	LRRC26	chr9:140033608-140064491	4.37919	7.36057	0.749153	0.358967
XLOC_018259	ARMC12	chr6:35704858-35716685	0.331247	0.556922	0.749567	0.599775
XLOC_004940	INHBC	chr12:57828542-57844609	0.0623743	0.104955	0.750746	1
XLOC_001990	LOC400794	chr1:165446078-165551341	0.021369	0.0359814	0.75173	1
XLOC_010731	LOC641367	chr19:21906842-21950430	0.0363681	0.061332	0.753966	1
XLOC_022436	LOC100128361	chr9:95059639-95432547	0.390242	0.658178	0.754107	0.901295

XLOC_021774	C8orf31	chr8:144120678-144135720	0.959971	1.61974	0.754696	0.254546
XLOC_001535	TRABD2B	chr1:48226199-48462562	0.0423903	0.0715546	0.755311	1
XLOC_001205	TMEM240	chr1:1470157-1475740	0.0403745	0.0681537	0.755348	1
XLOC_011185	TMEM190	chr19:55888203-55889612	0.103968	0.175915	0.758745	1
XLOC_017371	PCDHB4	chr5:140501580-140505201	0.0406107	0.0687626	0.759764	1
XLOC_018141	NKAPL	chr6:28227074-28228736	0.0126623	0.0214612	0.761194	1
XLOC_016466	LRIT3	chr4:110769357-110793471	0.0656748	0.111322	0.761329	1
XLOC_005545	ARHGAP9	chr12:57853917-57873633	0.103471	0.175454	0.761865	1
XLOC_010804	HCST	chr19:36393381-36395173	2.26105	3.83903	0.763754	0.455538
XLOC_020575	LOC100132832	chr7:76668796-76682355	0.620805	1.05429	0.764054	0.26052
XLOC_009338	TSPAN10	chr17:79609348-79615779	0.946382	1.60931	0.765952	0.406256
XLOC_005578	CPM	chr12:69244955-69357020	0.00813667	0.0138491	0.76728	1
XLOC_005542	NDUFA4L2	chr12:57623355-57634475	1.81581	3.09424	0.768972	0.927404
XLOC_008816	C17orf74	chr17:7328934-7330886	0.413572	0.705319	0.770137	0.522543
XLOC_003947	SCT	chr11:626312-627173	0.154319	0.263195	0.770222	1
XLOC_018096	HIST1H4C	chr6:26104175-26104565	2.06862	3.52822	0.770272	0.574478
XLOC_003974	TRPM5	chr11:2425745-2444275	0.0063564	0.0108462	0.770912	1
XLOC_004981	LYZ	chr12:69742133-69748013	0.0328054	0.0561338	0.774935	1
XLOC_000975	PTPRVP	chr1:202137178-202158577	0.0222402	0.0380845	0.776031	1
XLOC_003931	LOC283177	chr11:134306375-134375555	0.0237286	0.0406706	0.777361	1
XLOC_001858	S100A14	chr1:153586731-153588808	0.300098	0.514521	0.777795	0.582102
XLOC_014015	SULF2	chr20:46286149-46415360	0.00647577	0.0111043	0.777998	1
XLOC_014296	SNORA80	chr21:33664123-33765312	10.5794	18.1504	0.778743	0.946606
XLOC_003763	SCARNA9	chr11:93394815-93463522	4.43738	7.61339	0.778832	0.698669
XLOC_001517	CCDC17	chr1:46085715-46089731	0.248904	0.427436	0.780119	0.515718
XLOC_016389	SHROOM3	chr4:77356252-77704405	0.00667085	0.0114598	0.780638	1
XLOC_022797	C9orf24	chr9:34379016-34397849	0.0979243	0.16834	0.781635	1
XLOC_002315	IDI2-AS1	chr10:1064846-1095061	1.31825	2.26679	0.782021	0.897332
XLOC_005999	F10	chr13:113777112-113803843	0.164503	0.283007	0.782721	1
XLOC_005699	HVCN1	chr12:111051831-111127617	0.0539615	0.0928897	0.783589	1
XLOC_019071	KIAA0408,SOGA3	chr6:127759550-127840500	0.00618904	0.0106645	0.785024	1
XLOC_021731	HAS2-AS1	chr8:122625270-122657564	0.0197806	0.0341141	0.786279	1
XLOC_023510	RPA4	chrX:95939661-96855597	0.21667	0.373984	0.787481	0.901719
XLOC_020644	STAG3	chr7:99775537-99869855	0.146865	0.2537	0.788636	1
XLOC_009025	LRRRC37A11P	chr17:37186158-37209458	0.0146129	0.0252563	0.789401	1
XLOC_003558	ASRGL1	chr11:62104773-62160887	1.10195	1.90631	0.790719	0.14651
XLOC_002448	GLUD1P7	chr10:48954404-48958083	0.0263688	0.0456269	0.791055	1
XLOC_006837	CCDC175	chr14:59951160-60043549	0.316135	0.547071	0.791187	0.817355
XLOC_015864	PVRL3-AS1	chr3:110764162-110788806	0.0345872	0.0598731	0.791671	1
XLOC_012661	TUBA4B	chr2:220110191-220136910	0.0184676	0.0319724	0.791829	1
XLOC_009391	LOC284009	chr17:2310274-2318730	0.125728	0.217763	0.792446	1
XLOC_008305	MC1R	chr16:89984286-89987385	1.89669	3.28525	0.792522	0.0738934
XLOC_004033	HPX	chr11:6452267-6462254	0.21966	0.380494	0.792602	0.554994
XLOC_013630	CNBD2	chr20:34556528-34618622	0.0555069	0.0962649	0.794343	1
XLOC_013356	TNS1	chr2:218664511-218808796	0.131193	0.227621	0.794936	1
XLOC_000485	LOC646626	chr1:85731459-85743771	2.35172	4.08284	0.795855	0.922274
XLOC_007369	LOC100505679	chr15:84841241-84850985	0.316322	0.549221	0.795994	0.765908
XLOC_004877	HOXC13	chr12:54329111-54340328	0.301719	0.523962	0.796255	0.474059
XLOC_012398	LOC440900	chr2:114735245-114764887	0.0538165	0.0934678	0.79642	1

XLOC_016072	KCNMB3	chr3:178957536-178984838	0.44778	0.777784	0.796578	0.420709
XLOC_009271	TMEM104	chr17:72772621-72835922	1.61228	2.8047	0.79874	0.0525851
XLOC_008162	CA7	chr16:66878281-66888049	0.0487403	0.0848518	0.79983	1
XLOC_001661	ABCA4	chr1:94458393-94586705	0.0122377	0.0213314	0.801641	1
XLOC_007109	APBA2	chr15:29213839-29410516	0.00793842	0.0138383	0.801747	1
XLOC_002639	DNMBP-AS1	chr10:101635333-101769676	0.0132198	0.0230602	0.802703	1
XLOC_008350	SNORA10	chr16:2012061-2014827	47.7041	83.2474	0.803294	0.902666
XLOC_002719	CASC2	chr10:119806331-119969665	0.196936	0.343893	0.80423	1
XLOC_016465	RRH	chr4:110749149-110765861	0.0400956	0.0700476	0.804892	1
XLOC_015578	LOC100129480	chr3:12581279-12586963	0.0380162	0.066439	0.805417	1
XLOC_018128	HIST1H2AI	chr6:27775976-27776445	0.889957	1.55633	0.806336	0.711397
XLOC_003233	SNORA52	chr11:809935-812876	31.152	54.5818	0.809096	0.907121
XLOC_001812	TMOD4	chr1:151129104-151148547	0.0891537	0.156221	0.809221	1
XLOC_008929	PYY2	chr17:26553588-26555085	0.609463	1.06811	0.809449	0.550766
XLOC_011443	ZNF878	chr19:12154619-12163782	0.194752	0.341407	0.809857	1
XLOC_017850	TMEM173	chr5:138855112-138862343	0.12182	0.213615	0.810267	1
XLOC_008599	SNORA46	chr16:58549382-58663790	1.79061	3.14039	0.81049	0.930021
XLOC_000976	LGR6	chr1:202163117-202288889	0.0427267	0.07498	0.811368	1
XLOC_009145	HOXB-AS3	chr17:46667822-46683774	0.505049	0.887438	0.813224	0.902216
XLOC_006700	SNORD8	chr14:21853352-21905457	13.5518	23.8414	0.814983	0.940466
XLOC_007902	LOC100128770	chr16:3077867-3089133	0.0420774	0.0740397	0.815255	1
XLOC_023464	ITGB1BP2	chrX:70430034-70948962	0.430624	0.758262	0.816266	0.910997
XLOC_012961	LOC100133985	chr2:70351167-70352448	1.91785	3.379	0.817104	0.421781
XLOC_018774	HSPA1L	chr6:31777395-31782835	0.188514	0.333024	0.82096	1
XLOC_015232	LOC100009676	chr3:101368282-101398057	1.96873	3.47797	0.820981	0.303067
XLOC_014354	LINC00313	chr21:44881973-44898103	0.107961	0.19091	0.822384	1
XLOC_015434	SERPINI1	chr3:167453431-167543357	0.152666	0.270845	0.82709	1
XLOC_000653	GPR89B,GPR89C	chr1:147400505-147465755	0.0737147	0.130796	0.827298	1
XLOC_004558	MPZL3	chr11:118100335-118123011	0.136439	0.242413	0.829213	1
XLOC_007395	WDR93	chr15:90234027-90286869	0.053362	0.0948676	0.830103	1
XLOC_006120	RCBTB2	chr13:49063098-49107316	0.245663	0.437384	0.832221	0.292125
XLOC_009545	GRAP	chr17:18853988-18950336	0.0846868	0.150845	0.832857	1
XLOC_005308	TAS2R31	chr12:10998447-11328619	0.0180156	0.0320992	0.833289	1
XLOC_008160	CMTM2	chr16:66613350-66622177	0.151472	0.269991	0.833857	1
XLOC_013399	COL4A4	chr2:227867426-228029275	0.0165427	0.0294907	0.834066	1
XLOC_014016	PREX1	chr20:47240792-47444420	0.0350825	0.0626164	0.835789	1
XLOC_010661	HSH2D	chr19:16244837-16269377	0.290761	0.518982	0.835854	0.381661
XLOC_007224	TEX9	chr15:56657643-56757335	0.337594	0.602709	0.836171	0.529976
XLOC_007429	SYNM	chr15:99645285-99675800	0.00268882	0.00480037	0.836172	1
XLOC_012393	FOXD4L1	chr2:114256660-114258727	0.422189	0.754312	0.837271	0.452276
XLOC_020729	SND1-IT1	chr7:127292201-127732659	0.0239186	0.0427394	0.837435	1
XLOC_016296	DCAF4L1	chr4:41983712-41988484	0.119569	0.213656	0.837446	1
XLOC_000028	MMP23B	chr1:1567559-1570030	0.1154	0.206654	0.840568	1
XLOC_013730	FAM209A	chr20:55043646-55101208	0.173632	0.311069	0.841201	1
XLOC_007830	WFIKKN1	chr16:681011-684116	0.212819	0.381396	0.841664	0.666905
XLOC_021232	SPDYE6	chr7:101986191-101996889	0.262364	0.471122	0.844534	0.301882
XLOC_014505	TCN2	chr22:31003069-31023047	0.0280766	0.0504723	0.846124	1
XLOC_008927	LGALS9	chr17:25958173-25976586	0.110994	0.199596	0.846603	1
XLOC_010484	C19orf71	chr19:3538262-3557571	0.515024	0.928062	0.849581	0.926428

XLOC_000020	TAS1R3	chr1:1266725-1269844	0.0840563	0.151598	0.850819	1
XLOC_022963	HIATL2	chr9:99708326-99775862	0.562487	1.01524	0.851924	0.568684
XLOC_024115	FGF13	chrX:137713733-138287185	0.00743944	0.0134321	0.852422	1
XLOC_014892	CELSR1	chr22:46756730-46933067	0.0413524	0.0749444	0.857848	1
XLOC_014955	CAND2	chr3:12838170-12876313	0.0744546	0.134978	0.858288	1
XLOC_006852	TEX21P	chr14:64812190-64814329	0.0532941	0.0967521	0.860318	1
XLOC_004784	REP15	chr12:27849427-27850566	0.760758	1.38154	0.860771	0.25951
XLOC_014453	FBXW4P1	chr22:23522551-23660224	0.269221	0.489337	0.862038	0.938335
XLOC_012299	GGT8P	chr2:91963367-91970153	0.0175429	0.0320275	0.86842	1
XLOC_012093	EMILIN1	chr2:27301434-27309265	0.194786	0.35638	0.871526	1
XLOC_012288	ANAPC1P1	chr2:87042459-87122165	0.00862653	0.0157839	0.871598	1
XLOC_021286	RNF148	chr7:121958477-122526813	0.107645	0.197008	0.871978	1
XLOC_020930	LOC100131257	chr7:7115400-7136417	0.00327465	0.00599488	0.87239	1
XLOC_005322	GPR19	chr12:12813994-12849121	0.205361	0.376063	0.872812	0.454495
XLOC_023939	MAP2K4P1	chrX:72744110-72782921	0.00587712	0.0107748	0.874486	1
XLOC_015989	SLC9A9	chr3:142984063-143567373	0.00852477	0.0156466	0.876118	1
XLOC_022085	LOC100127983	chr8:91803920-91997485	0.145599	0.268088	0.880705	1
XLOC_001975	APOA2	chr1:161192082-161193418	1.01915	1.87662	0.880762	0.512222
XLOC_015006	FBXL2	chr3:33318933-33428757	0.0283174	0.0521953	0.88223	1
XLOC_004928	SLC39A5	chr12:56623819-56652143	0.094105	0.173528	0.882826	1
XLOC_000457	ZRANB2-AS2	chr1:71547006-71703406	0.153662	0.284161	0.886948	1
XLOC_005992	TEX29	chr13:111973014-111996594	0.228047	0.421846	0.887387	0.703707
XLOC_011649	LGALS4	chr19:39292310-39303740	0.122572	0.226879	0.888296	1
XLOC_020957	STEAP1B	chr7:22459062-22539901	0.0125104	0.0232529	0.894279	1
XLOC_009139	LRRRC46	chr17:45908992-45918699	0.329851	0.613399	0.895012	0.940466
XLOC_018200	SNORA38	chr6:31588449-31605554	9.39912	17.4922	0.896113	0.938622
XLOC_004714	KLRG1	chr12:9142220-9163340	0.127708	0.23808	0.898597	1
XLOC_023005	SVEP1	chr9:113127528-113342160	0.00115311	0.00214969	0.8986	1
XLOC_009634	CCL3L1	chr17:34522267-34524156	0.245004	0.456955	0.899244	0.612247
XLOC_016175	SCARNA22	chr4:1873122-1983934	53.8311	100.404	0.899298	0.936432
XLOC_005296	STYK1	chr12:10771537-10826891	0.100211	0.18691	0.89931	1
XLOC_014357	LOC284837	chr21:45225638-45232448	0.0221539	0.0413369	0.899866	1
XLOC_021028	LOC100506895	chr7:43152197-43602938	0.00527269	0.00985074	0.901693	1
XLOC_006817	BMP4	chr14:54416454-54423554	0.620345	1.15963	0.902521	0.200193
XLOC_004080	DKK3	chr11:11984542-12030917	0.0954861	0.178557	0.903023	1
XLOC_021945	LOC100128750	chr8:30239634-30429734	0.354845	0.66423	0.904492	0.922274
XLOC_023455	RAB41	chrX:69502021-69504852	0.0173905	0.0326003	0.906585	1
XLOC_022980	BAAT	chr9:104122698-104147287	0.111009	0.208205	0.907331	1
XLOC_023132	ABO	chr9:136130562-136150630	0.167294	0.313793	0.907431	1
XLOC_015410	ARHGEF26	chr3:153742189-153975616	0.108307	0.20349	0.909838	1
XLOC_018190	HCP5	chr6:31430956-31433586	0.00582741	0.0109544	0.910581	1
XLOC_013907	LOC284801	chr20:26167654-26189869	0.0361952	0.0681004	0.911863	1
XLOC_011069	LOC100129083	chr19:51913274-51921057	0.177162	0.333649	0.913266	1
XLOC_015183	MITF	chr3:69788585-70017488	0.383686	0.722686	0.913443	0.0689012
XLOC_010248	CNDP1	chr18:72201691-72252261	0.00777421	0.0146627	0.915385	1
XLOC_022237	SCRT1	chr8:145554453-145559943	0.0544552	0.102778	0.916392	1
XLOC_023403	CCNB3	chrX:50027539-50094911	0.387626	0.733443	0.92002	0.368906
XLOC_021339	ATP6V0A4	chr7:138391038-138490769	0.0108188	0.0204818	0.92081	1
XLOC_023313	MAGEB2	chrX:30233674-30238206	0.369835	0.700239	0.920967	0.312318

XLOC_013970	MAFB	chr20:39314516-39317876	0.00775905	0.0147081	0.922662	1
XLOC_021377	CTAGE4	chr7:143955788-143983096	0.050439	0.0957904	0.925342	1
XLOC_016621	MFSD7	chr4:671710-682973	0.224103	0.42563	0.925436	0.879418
XLOC_002041	SERPINC1	chr1:173872941-173886516	0.0258156	0.049048	0.92595	1
XLOC_007554	PIN4P1	chr15:44165729-44487429	0.0215025	0.0408548	0.926002	1
XLOC_009840	SAMD14	chr17:48172100-48207246	0.050186	0.0955416	0.928845	1
XLOC_020515	INTS4L2	chr7:65111923-65235797	0.0331356	0.0631341	0.930038	1
XLOC_018707	HIST1H2AM	chr6:27860476-27860963	2.69868	5.14455	0.930793	0.332523
XLOC_001509	PTCH2	chr1:45285515-45308616	0.17192	0.328244	0.93303	1
XLOC_018326	TMEM151B	chr6:44238479-44247182	0.0392471	0.0749894	0.934101	1
XLOC_018119	HIST1H2AG	chr6:27100816-27101314	1.88279	3.60048	0.93532	0.413789
XLOC_015358	IL20RB	chr3:136676706-136729926	0.142546	0.272678	0.935766	1
XLOC_014349	RSPH1	chr21:43892596-43916401	0.416673	0.798254	0.937933	0.292741
XLOC_007278	LOC145837	chr15:69854058-69863779	0.0326326	0.0625384	0.938427	1
XLOC_021683	LOC100616530	chr8:96257140-96822371	0.147022	0.281977	0.939544	1
XLOC_001396	SNORA61	chr1:28879528-28908366	30.8068	59.1541	0.94123	0.939922
XLOC_008276	FOXL1	chr16:86612114-86615304	0.0255193	0.0490118	0.941543	1
XLOC_017992	GRM6	chr5:178405329-178422124	0.011259	0.0216321	0.942093	1
XLOC_008498	SLC7A5P1	chr16:29624423-29625038	0.326369	0.627768	0.943729	0.804081
XLOC_000606	OLFML3	chr1:114522029-114524875	0.00955567	0.0184436	0.948693	1
XLOC_011815	RASIP1	chr19:49223841-49243970	0.302233	0.58515	0.953143	0.355674
XLOC_017180	MAP1B	chr5:71403117-71505397	0.0043578	0.00844322	0.954194	1
XLOC_022186	TMEM71	chr8:133722191-133772914	0.530195	1.02784	0.955022	0.163304
XLOC_020482	ABCA13	chr7:48211056-48687091	0.00110796	0.00215095	0.957071	1
XLOC_007924	C16orf71	chr16:4746510-4799397	0.0748509	0.145435	0.958282	1
XLOC_018120	HIST1H4I	chr6:27106071-27114637	0.710474	1.38094	0.958799	0.944295
XLOC_004893	PDE1B	chr12:54943176-54973023	0.00570625	0.0111183	0.962316	1
XLOC_017272	AQPEP	chr5:115298150-115363299	0.00402796	0.00785651	0.963837	1
XLOC_020543	CLDN4	chr7:73245192-73247015	0.122589	0.239109	0.963839	1
XLOC_010817	ZNF790-AS1	chr19:37288451-37407193	0.0277163	0.0540735	0.964185	1
XLOC_017486	SNORA74B	chr5:172410762-172461900	1.55774	3.0393	0.964284	0.934861
XLOC_002814	PROSER2-AS1	chr10:11865396-11936709	0.00720021	0.014066	0.966107	1
XLOC_008770	SPNS3	chr17:4337218-4391499	0.364139	0.712871	0.969149	0.377663
XLOC_022946	MIRLET7DHG	chr9:96938851-96966848	0.48828	0.955911	0.969167	0.208603
XLOC_014177	IGSF5	chr21:41117333-41174023	0.020774	0.0407141	0.97075	1
XLOC_003349	NCR3LG1	chr11:17373308-17398868	0.218123	0.427759	0.97166	0.0831301
XLOC_000769	RAB25	chr1:156030965-156040295	0.0398918	0.078406	0.974871	1
XLOC_015147	ITIH1	chr3:52811601-52826084	0.00729021	0.0143288	0.974886	1
XLOC_008377	CCDC64B	chr16:3077867-3089133	0.155622	0.306552	0.978089	1
XLOC_006350	LINC00640	chr14:51800110-51832275	0.0794895	0.157041	0.98231	1
XLOC_015924	ALDH1L1	chr3:125822403-125929011	0.00700496	0.0138569	0.984151	1
XLOC_015520	HRASLS	chr3:192958916-192988644	0.171105	0.33852	0.98436	1
XLOC_018896	TCTE1	chr6:44247896-44265458	0.111787	0.22158	0.987078	1
XLOC_006528	CYP46A1	chr14:100150754-100193638	0.0390689	0.0775041	0.988254	1
XLOC_009568	VTN	chr17:26694298-26697373	0.012749	0.025307	0.989155	1
XLOC_011345	FUT3	chr19:5842898-5851485	0.0112644	0.0223814	0.990534	1
XLOC_007121	SCG5	chr15:32933869-32989298	0.198994	0.395809	0.992075	0.431488
XLOC_005325	GSG1	chr12:13236470-13256630	0.038206	0.0761228	0.994529	1
XLOC_014484	CRYBA4	chr22:27017927-27026636	0.0327297	0.0653925	0.998524	1

XLOC_011045	ATF5	chr19:50392912-50437193	51.3277	102.578	0.998918	0.270647
XLOC_002599	CYP26A1	chr10:94833231-94837641	0.0315962	0.0632085	1.00037	1
XLOC_020742	LOC100130705	chr7:128506463-128512101	0.755771	1.51327	1.00165	0.0699076
XLOC_013870	SNORD17	chr20:17922243-17949490	4.74934	9.51734	1.00283	0.930948
XLOC_005161	CCDC62	chr12:123259055-123311927	0.122055	0.24491	1.00471	1
XLOC_001872	SHE	chr1:154451953-154474526	0.00523288	0.0105197	1.00741	1
XLOC_000668	BOLA1	chr1:149871154-149872348	0.0926644	0.186335	1.00781	1
XLOC_022557	OLFML2A	chr9:127539436-127577159	0.0141758	0.0285807	1.01161	1
XLOC_021116	NCF1C	chr7:74572383-74587816	0.0189458	0.0382827	1.01481	1
XLOC_014746	ZNRF3-AS1	chr22:29279754-29453476	0.0269056	0.0543975	1.01563	1
XLOC_018676	HIST1H3B	chr6:26031816-26032288	1.69024	3.42996	1.02096	0.421836
XLOC_018103	HIST1H2AE	chr6:26217147-26217711	7.41384	15.0484	1.02132	0.0625465
XLOC_007702	DNM1P35	chr15:76016318-76032418	0.118855	0.2414	1.02223	1
XLOC_014407	TSSK2	chr22:19117791-19132190	0.423365	0.859896	1.02226	0.85718
XLOC_012799	FAM49A	chr2:16730729-16847134	0.0152588	0.031045	1.02472	1
XLOC_011188	NAT14	chr19:55996556-55998935	1.67004	3.40054	1.02588	0.110718
XLOC_001483	COL9A2	chr1:40766162-40782939	0.00807294	0.0164728	1.02892	1
XLOC_004063	SCUBE2	chr11:9041046-9113150	0.00908841	0.0185549	1.0297	1
XLOC_005082	FICD	chr12:108909050-108913380	0.609543	1.24534	1.03074	0.189591
XLOC_007520	EXD1	chr15:41474930-41522895	0.0121902	0.024927	1.03199	1
XLOC_008865	HS3ST3B1	chr17:14204505-14249492	0.144593	0.29662	1.03662	1
XLOC_005845	FRY	chr13:32605436-32870776	0.00340833	0.00702145	1.0427	1
XLOC_001780	NBPF11,NBPF24	chr1:147574322-147624601	0.00352018	0.00725601	1.04353	1
XLOC_016286	LOC401127	chr4:39481874-39483523	0.0951327	0.197026	1.05037	1
XLOC_003969	IGF2,INS,INS-IGF	chr11:2150341-2182439	0.00915311	0.0189604	1.05066	1
XLOC_023181	CLIC3	chr9:139889059-139891024	0.114855	0.238615	1.05487	1
XLOC_013908	MIR663A	chr20:26167654-26189869	1704.87	3544.5	1.05592	0.267401
XLOC_005437	FAM186B	chr12:49976657-49999433	0.104752	0.218408	1.06005	1
XLOC_015393	WWTR1-AS1	chr3:149235021-149421060	0.0547669	0.11419	1.06006	1
XLOC_005869	VWA8-AS1	chr13:42535304-42555701	0.0185516	0.0386918	1.06048	1
XLOC_003950	CEND1	chr11:787109-790126	0.127615	0.266402	1.0618	1
XLOC_010345	PSTPIP2	chr18:43563501-43652250	0.0161333	0.0337297	1.06397	1
XLOC_013442	LOC151171	chr2:239419330-239464140	0.0202583	0.0424068	1.06578	1
XLOC_017837	GFRA3	chr5:137588068-137610253	0.0699687	0.146586	1.06696	1
XLOC_001471	RHBDL2	chr1:39351478-39407456	0.0466857	0.0978294	1.06729	1
XLOC_011365	FLJ25758	chr19:7004963-7006426	0.0301096	0.0631261	1.06801	1
XLOC_007307	CPLX3	chr15:75118950-75124136	0.0402747	0.0846415	1.07149	1
XLOC_003297	CNGA4	chr11:6260321-6265707	0.0349928	0.0737267	1.07513	1
XLOC_023761	GPM6B	chrX:13789061-13956831	0.0192715	0.0406224	1.0758	1
XLOC_005938	C13orf45	chr13:76445173-76457948	0.0154322	0.0325633	1.0773	1
XLOC_008828	SHBG	chr17:7494547-7536700	0.3945	0.834862	1.08151	0.730925
XLOC_012687	SP140	chr2:231090444-231177930	0.136925	0.290367	1.08449	1
XLOC_022020	LOC100505676	chr8:67331821-67341212	0.0159684	0.0339671	1.08892	1
XLOC_022619	PPAPDC3	chr9:134165080-134184649	0.170717	0.363612	1.09079	1
XLOC_018688	HIST1H3G	chr6:26271145-26271612	1.00999	2.15226	1.09152	0.472023
XLOC_011879	KLK15	chr19:51328544-51334779	0.0419579	0.0894392	1.09197	1
XLOC_000450	GNG12-AS1	chr1:68167148-68698284	0.030535	0.0651286	1.09283	1
XLOC_012183	C2orf73	chr2:54558070-54588714	0.00730119	0.0155779	1.0933	1
XLOC_005559	C12orf61	chr12:62995530-62997214	0.331893	0.708165	1.09337	0.303364

XLOC_004325	KCNK7	chr11:65360325-65363467	0.328011	0.700588	1.09482	0.285746
XLOC_008489	NUPR1	chr16:28548661-28550495	2.47773	5.29395	1.09533	0.064033
XLOC_018195	LTA	chr6:31539875-31542100	0.0763534	0.163292	1.09669	1
XLOC_008439	XYLT1	chr16:17196180-17564738	0.00710283	0.0152053	1.09811	1
XLOC_001970	PVRL4	chr1:161040780-161059385	0.029976	0.064233	1.09951	1
XLOC_015534	LRRC33	chr3:196366655-196388874	0.0830836	0.17819	1.10078	1
XLOC_012708	CHRNA3	chr2:233404436-233411038	0.0196804	0.0423523	1.10568	1
XLOC_015569	GHRL	chr3:10290176-10335133	0.187894	0.405593	1.11012	0.600595
XLOC_009674	TNS4	chr17:38632079-38657854	0.0107783	0.0232772	1.11079	1
XLOC_002336	LINC00707	chr10:6821559-6884868	0.00471609	0.0102033	1.11337	1
XLOC_005241	IFFO1	chr12:6648693-6665249	0.0445725	0.0965249	1.11475	1
XLOC_021804	GPT	chr8:145729464-145732555	0.112641	0.244136	1.11595	1
XLOC_013668	GDAP1L1	chr20:42875738-42909557	0.0214202	0.0464772	1.11755	1
XLOC_005216	NINJ2	chr12:673461-772755	0.885993	1.92519	1.11963	0.126915
XLOC_010575	ICAM4	chr19:10397642-10399260	0.156128	0.339284	1.11977	1
XLOC_023994	RAB40A	chrX:102754680-102774417	0.372163	0.80882	1.11988	0.245554
XLOC_017386	PCDHB15	chr5:140625146-140627801	0.0656467	0.142756	1.12076	1
XLOC_010754	TDRD12	chr19:33210678-33281714	0.00918279	0.0199748	1.12117	1
XLOC_005826	SNORA27	chr13:27825691-27830702	29.2329	63.7132	1.124	0.876392
XLOC_020953	MACC1	chr7:20174278-20257013	0.00342825	0.00747363	1.12433	1
XLOC_015616	NEK10	chr3:27257096-27410912	0.00545483	0.0119013	1.12551	1
XLOC_020791	WEE2	chr7:141404137-141438030	0.00491894	0.0107696	1.13054	1
XLOC_014592	MEI1	chr22:42095517-42195459	0.0222294	0.0486882	1.1311	1
XLOC_003318	SNORA3	chr11:8703994-8711419	8.79887	19.2856	1.13213	0.87748
XLOC_010721	ZNF90	chr19:20188802-20231977	0.00451954	0.00991396	1.13329	1
XLOC_020802	EPHB6	chr7:142552791-142568847	0.112096	0.245995	1.1339	1
XLOC_021615	DNAJC5B	chr8:66933790-67012755	0.0160586	0.0352434	1.13401	1
XLOC_020593	DPY19L2P4	chr7:89748713-89754914	0.0310357	0.0682008	1.13586	1
XLOC_020376	SCIN	chr7:12610202-12693228	0.00557251	0.0122618	1.13777	1
XLOC_010326	KLHL14	chr18:30252633-30352974	0.00755545	0.0166434	1.13936	1
XLOC_020789	TMEM178B	chr7:140774031-141180179	0.00142888	0.003148	1.13955	1
XLOC_010185	SETBP1	chr18:42260137-42648475	0.00156743	0.00345995	1.14235	1
XLOC_018796	HLA-DRB1	chr6:32546546-32557613	0.0235869	0.0520839	1.14285	1
XLOC_018668	FAM65B	chr6:24804512-24911195	0.00270612	0.00598338	1.14474	1
XLOC_011960	SYT5	chr19:55684468-55691720	0.0353488	0.0782257	1.14598	1
XLOC_018107	HIST1H2BI	chr6:26273203-26273640	0.64939	1.44075	1.14966	0.506593
XLOC_017888	IL17B	chr5:148753829-148758838	0.0515287	0.114344	1.14993	1
XLOC_002888	SEPT7L	chr10:38671997-38691780	0.0557795	0.123843	1.1507	1
XLOC_004737	APOLD1	chr12:12878850-12944399	0.198408	0.441432	1.15372	0.0831301
XLOC_005631	TMCC3	chr12:94960899-95044324	0.00339995	0.00756856	1.1545	1
XLOC_022937	ECM2	chr9:95059639-95432547	0.00744599	0.0165903	1.15581	1
XLOC_007434	ALDH1A3	chr15:101420008-101456830	0.0181656	0.0406481	1.16198	1
XLOC_001204	ANKRD65	chr1:1353799-1356824	0.0129297	0.0290198	1.16635	1
XLOC_013271	CALCRL	chr2:188206689-188313021	0.0028922	0.00650612	1.16963	1
XLOC_000224	SCARNA1	chr1:28157251-28178183	1.67558	3.76969	1.16978	0.906152
XLOC_007956	MPV17L	chr16:15489610-15503543	0.0118518	0.0266696	1.17008	1
XLOC_011198	NLRP4	chr19:56296762-56393220	0.00455281	0.010294	1.17698	1
XLOC_017242	C5orf27	chr5:95187935-95195836	0.00880894	0.0199795	1.18148	1
XLOC_006920	SNORA79	chr14:81641795-81687575	17.4635	39.6549	1.18316	0.907121

XLOC_008005	SLC5A11	chr16:24857183-24922949	0.0259692	0.0589844	1.18353	1
XLOC_014122	C21orf7	chr21:30452872-30548202	0.295196	0.672089	1.18698	0.118625
XLOC_023285	CDKL5	chrX:18443724-18690223	0.0131639	0.0299875	1.18777	1
XLOC_013523	BMP2	chr20:6748744-6760910	0.00759543	0.0173158	1.18889	1
XLOC_000715	LCE1B	chr1:152784446-152785585	0.113651	0.260608	1.19727	1
XLOC_004892	NCKAP1L	chr12:54891494-54936899	0.0248065	0.0569216	1.19826	1
XLOC_021350	DENND2A	chr7:140218219-140302342	0.00528216	0.0121318	1.19959	1
XLOC_009952	CD300C	chr17:72537204-72542310	0.0185846	0.0427634	1.20227	1
XLOC_014602	LOC388906	chr22:42665758-42670868	0.192064	0.442213	1.20316	0.421289
XLOC_018842	CPNE5	chr6:36708554-36807220	0.079407	0.183261	1.20656	1
XLOC_009231	C17orf72	chr17:62075710-62097994	0.0168628	0.0389479	1.2077	1
XLOC_013181	NEB	chr2:152341852-152591001	0.00332474	0.00771265	1.21398	1
XLOC_016376	CXCL1	chr4:74735108-74737019	0.1789	0.415159	1.21451	0.351736
XLOC_020480	C7orf57	chr7:48075107-48100894	0.0177694	0.0412407	1.21467	1
XLOC_010875	CYP2F1	chr19:41620352-41634281	0.0144624	0.0335707	1.2149	1
XLOC_018689	HIST1H4H	chr6:26285353-26285727	3.14664	7.31221	1.2165	0.109206
XLOC_009121	MAPT	chr17:43920721-44105699	0.00684516	0.0159562	1.22096	1
XLOC_020718	WNT16	chr7:120965420-120981158	0.0299653	0.069982	1.22369	1
XLOC_017348	SNORA74A	chr5:138609440-138667366	1.31212	3.07215	1.22735	0.907121
XLOC_009198	PPM1E	chr17:56833229-57184266	0.00534146	0.0125197	1.2289	1
XLOC_004805	PDZRN4	chr12:41582249-41968392	0.0150715	0.0354258	1.23298	1
XLOC_010064	ZNF750	chr17:80709939-80901062	0.00632134	0.0148781	1.23489	1
XLOC_011497	EPHX3	chr19:15337729-15343858	0.0613551	0.144467	1.23549	1
XLOC_022655	LCN1	chr9:138413283-138418386	0.0707409	0.166713	1.23675	1
XLOC_018420	KLHL32	chr6:97372495-97862283	0.00944707	0.0222745	1.23746	1
XLOC_005246	ACRBP	chr12:6747241-6756580	0.150248	0.355168	1.24115	1
XLOC_008454	ACSM1	chr16:20634558-20702578	0.00744177	0.0175914	1.24115	1
XLOC_018093	HIST1H4A	chr6:26021906-26022278	0.509879	1.20752	1.24382	0.591799
XLOC_016032	VEPH1	chr3:156977531-157221415	1.11618	2.64449	1.24442	0.0541611
XLOC_015922	ALG1L	chr3:125635443-125655887	0.330248	0.783522	1.24642	0.576328
XLOC_016950	HHIP-AS1	chr4:145564067-145659881	0.0401525	0.0954768	1.24966	1
XLOC_012078	DNAJC27-AS1	chr2:25194980-25262563	0.00824334	0.0196595	1.25392	1
XLOC_009035	GRB7	chr17:37894161-37903538	0.164621	0.393606	1.2576	0.208514
XLOC_011748	NKPD1	chr19:45653007-45663408	0.0128666	0.0308655	1.26237	1
XLOC_019067	STL	chr6:125229391-125284173	0.0133051	0.0319419	1.26348	1
XLOC_008157	LOC100505865	chr16:66442426-66444803	0.117976	0.283272	1.2637	1
XLOC_017827	LOC389332	chr5:135527155-135528851	0.0234391	0.0564733	1.26865	1
XLOC_019166	SNORA20	chr6:160181290-160210735	2.94782	7.10605	1.2694	0.886622
XLOC_002957	EGR2	chr10:64571755-64578927	0.152103	0.367001	1.27074	1
XLOC_009482	LOC100128288	chr17:8261730-8263859	0.0234416	0.0566864	1.27393	1
XLOC_015445	CLDN11	chr3:170136652-170152479	0.00711978	0.017241	1.27594	1
XLOC_008490	SULT1A2	chr16:28603263-28608391	0.0253743	0.0614532	1.27612	1
XLOC_006895	PROX2	chr14:75319735-75330537	0.00949779	0.0230309	1.2779	1
XLOC_021886	MSR1	chr8:15965386-16050300	0.00527807	0.0128011	1.27818	1
XLOC_014958	LINC00620	chr3:13692220-13788132	0.024464	0.0593384	1.27831	1
XLOC_018737	HCG17	chr6:30201815-30314635	0.153507	0.372689	1.27967	1
XLOC_009308	SCARNA16	chr17:75084724-75213181	9.50171	23.1479	1.28462	0.911075
XLOC_011883	KLK6	chr19:51461886-51472929	0.0131028	0.0319809	1.28734	1
XLOC_024015	KCNE1L	chrX:108866928-108868393	0.281019	0.687178	1.29002	0.262615

XLOC_004218	BTBD18	chr11:57479994-57586652	0.00938101	0.0230559	1.29732	1
XLOC_010311	ZNF521	chr18:22641887-22932214	0.04185	0.102948	1.29862	1
XLOC_011978	NLRP9	chr19:56219797-56249768	0.0421215	0.103657	1.29918	1
XLOC_003243	LOC338651	chr11:1490684-1785501	0.00806933	0.0198697	1.30005	1
XLOC_017112	PTGER4	chr5:40680031-40693837	0.0744676	0.183596	1.30185	1
XLOC_009714	KRT34	chr17:39533920-39538636	0.0112865	0.0279374	1.3076	1
XLOC_010520	ACSBG2	chr19:6135709-6193112	0.010474	0.0259782	1.31049	1
XLOC_018102	HIST1H4E	chr6:26204872-26205249	4.37283	10.865	1.31305	0.0637721
XLOC_017764	TMEM232	chr5:109755197-110062450	0.0180792	0.0449367	1.31356	1
XLOC_013297	RFTN2	chr2:198435526-198540584	0.017308	0.0430695	1.31523	1
XLOC_001621	UOX	chr1:84830640-84863576	0.0121492	0.0302383	1.31552	1
XLOC_009541	CCDC144B	chr17:18441114-18528930	0.00190021	0.00473901	1.31843	1
XLOC_010969	C5AR2	chr19:47835403-47845272	0.0300138	0.0749063	1.31946	1
XLOC_005658	LINC00485	chr12:103203060-103218177	0.00544781	0.0136315	1.3232	1
XLOC_013957	MROH8	chr20:35729628-35870025	0.0438133	0.109847	1.32605	1
XLOC_009910	SCN4A	chr17:62015913-62050278	0.0161477	0.0405029	1.3267	1
XLOC_023591	SOWAHD	chrX:118892575-118894165	0.0212301	0.0532564	1.32684	1
XLOC_007795	ADAMTS17	chr15:100511642-100882183	0.0466869	0.117573	1.33247	1
XLOC_011009	CGB2	chr19:49535129-49536495	0.0440731	0.111384	1.33757	1
XLOC_008100	NOD2	chr16:50731049-50766987	0.0060033	0.0151885	1.33915	1
XLOC_018733	RNF39	chr6:30034931-30043628	0.0387279	0.0981444	1.34153	1
XLOC_004840	GPD1	chr12:50497601-50505103	0.100693	0.255508	1.34341	1
XLOC_001445	COL8A2	chr1:36560843-36565850	0.00635788	0.0161844	1.34799	1
XLOC_004442	DLG2	chr11:83166055-85338314	0.00366	0.00933539	1.35086	1
XLOC_011985	ZNF667	chr19:56950692-56988770	0.00358468	0.00918331	1.35717	1
XLOC_003562	SNORA57	chr11:62430288-62441162	12.6603	32.4343	1.3572	0.861796
XLOC_001696	GNAT2	chr1:110145888-110155705	0.0538733	0.138147	1.35856	1
XLOC_014475	CRYBB3	chr22:25595816-25603326	0.10241	0.263507	1.36348	1
XLOC_022994	ACTL7B	chr9:111616868-111618275	0.042842	0.110359	1.3651	1
XLOC_007253	SLC51B	chr15:65337707-65360388	0.0391701	0.100969	1.36608	1
XLOC_015847	IMPG2	chr3:100941389-101039419	0.0064511	0.0166356	1.36665	1
XLOC_003081	PYROXD2	chr10:100143321-100174978	0.0475474	0.122707	1.36778	1
XLOC_021720	RAD21-AS1	chr8:117858172-117889107	0.0465314	0.12035	1.37096	1
XLOC_020691	GPR22	chr7:106809405-107218968	0.0116827	0.0304527	1.38219	1
XLOC_007972	C16orf62	chr16:19566736-19712485	0.0197562	0.0515474	1.38359	1
XLOC_018129	HIST1H3H	chr6:27777841-27778314	1.44979	3.7876	1.38544	0.210545
XLOC_018677	HIST1H2AB	chr6:26033319-26033796	0.691379	1.80642	1.38559	0.416068
XLOC_018964	FILIP1	chr6:76017799-76203496	0.00283388	0.00743543	1.39164	1
XLOC_021393	GIMAP6	chr7:150322463-150329736	0.00460359	0.0121346	1.3983	1
XLOC_015365	C3orf72	chr3:138666075-138672830	0.0120801	0.0318452	1.39844	1
XLOC_008835	TMEM88	chr17:7758383-7759417	0.942853	2.49298	1.40276	0.1252
XLOC_003025	GRID1	chr10:87337487-88126250	0.00824634	0.0218923	1.4086	1
XLOC_002197	HHIPL2	chr1:222695601-222721444	0.0388433	0.103212	1.40987	1
XLOC_001787	HIST2H3D	chr1:149784779-149785236	0.387025	1.02855	1.41011	0.586149
XLOC_011745	CEACAM22P	chr19:45041044-45060150	0.00531766	0.014135	1.41041	1
XLOC_022457	LOC100507346	chr9:98205263-98279247	0.0161648	0.0430098	1.41181	1
XLOC_009213	TBX2	chr17:59477256-59486827	0.0609308	0.162195	1.41248	1
XLOC_020698	LRRN3	chr7:110303105-111202573	0.00900866	0.0239937	1.41327	1
XLOC_013918	DUSP15	chr20:30448869-30458479	0.124145	0.331149	1.41546	1

XLOC_001269	NPPA	chr1:11845786-11907840	0.160492	0.4299	1.4215	0.895887
XLOC_006497	ITPK1-AS1	chr14:93403258-93582263	0.0121109	0.0324415	1.42153	1
XLOC_018681	HIST1H2BC	chr6:26123694-26124132	1.31468	3.52484	1.42285	0.198908
XLOC_007128	ANP32AP1	chr15:35529526-35530264	0.0237382	0.0637155	1.42443	1
XLOC_005323	GPRC5D	chr12:13093708-13103318	0.243912	0.655704	1.42668	0.270224
XLOC_002259	GNG4	chr1:235710984-235814054	0.00815211	0.022181	1.44408	1
XLOC_022353	FRMPD1	chr9:37651051-37746901	0.00339146	0.00925055	1.44763	1
XLOC_023832	SYN1	chrX:47420498-47479256	0.0150883	0.0411745	1.44832	1
XLOC_020517	SNORA22	chr7:65111923-65235797	2.35522	6.44359	1.452	0.888673
XLOC_001754	FCGR1B	chr1:120926127-120935944	0.00955418	0.0261595	1.45313	1
XLOC_007992	LOC653786	chr16:22557018-22588186	0.0328767	0.0907915	1.46549	1
XLOC_014029	NFATC2	chr20:50003493-50179370	0.00342818	0.00948694	1.4685	1
XLOC_023530	BEX4	chrX:102470019-102472128	0.0200453	0.0554757	1.4686	1
XLOC_009690	KRTAP3-2	chr17:39155444-39156138	0.210788	0.583694	1.46942	0.425029
XLOC_011241	ZNF274	chr19:58694395-58724927	0.0234608	0.0650361	1.47099	1
XLOC_017890	PDE6A	chr5:149237518-149324356	0.00365469	0.0101516	1.47389	1
XLOC_004605	VSIG2	chr11:124617369-124622109	0.0180403	0.0501225	1.47423	1
XLOC_023255	WWC3	chrX:9983794-10112518	0.00408481	0.0113504	1.47441	1
XLOC_005499	NFE2	chr12:54685890-54694821	0.012113	0.033926	1.48583	1
XLOC_017501	ARL10	chr5:175792501-175800503	0.0105218	0.0297423	1.49914	1
XLOC_006639	EXOC3L4	chr14:103566480-103576894	0.0193889	0.0548622	1.50058	1
XLOC_015503	SNORA4	chr3:186501360-186524484	2.3001	6.5452	1.50874	0.876998
XLOC_017969	HK3	chr5:176237559-176326333	0.00722419	0.0205764	1.51008	1
XLOC_011816	IZUMO1	chr19:49244144-49250166	0.0171609	0.0489589	1.51244	1
XLOC_013968	SNORA71D	chr20:37049238-37064018	9.46709	27.0256	1.51334	0.889702
XLOC_021636	LY96	chr8:74903563-74941307	1.11669	3.19746	1.51769	0.0508243
XLOC_002038	SNORD76	chr1:173832385-173837125	117.407	337.929	1.52521	0.877654
XLOC_002232	ACTA1	chr1:229566992-229569843	0.342342	0.986977	1.52758	0.11953
XLOC_018470	BRD7P3	chr6:118781934-119031238	0.00489549	0.0141211	1.52833	1
XLOC_016507	SLC7A11-AS1	chr4:138948576-139163503	0.00849107	0.0246307	1.53644	1
XLOC_009778	ITGA2B	chr17:42449549-42466873	0.00947594	0.0275003	1.53711	1
XLOC_005835	MTUS2	chr13:29598747-30080084	0.0220502	0.0640257	1.53786	1
XLOC_018684	HIST1H2BG	chr6:26216427-26216872	1.58559	4.62682	1.545	0.0729664
XLOC_016052	TERC	chr3:169482397-169482848	3.75805	11.005	1.55011	0.0609817
XLOC_014998	ZNF860	chr3:31702316-32033228	0.0254932	0.0748297	1.5535	1
XLOC_003646	ACTN3	chr11:66313865-66330799	0.0168526	0.0497345	1.56128	1
XLOC_017207	BHMT2	chr5:78365546-78385897	0.00641673	0.0190536	1.57016	1
XLOC_022864	FOXD4L6	chr9:69199479-69202204	0.0253664	0.0754465	1.57254	1
XLOC_018130	HIST1H2BM	chr6:27782821-27783267	0.103239	0.30821	1.57793	1
XLOC_016618	ZNF732	chr4:264463-289944	0.00742212	0.0222399	1.58324	1
XLOC_012084	CCDC164	chr2:26624783-26679579	0.00826559	0.0248088	1.58566	1
XLOC_013089	EDAR	chr2:109510926-109605828	0.00373815	0.0112221	1.58595	1
XLOC_011809	FAM83E	chr19:49103856-49116694	0.195212	0.586921	1.58812	0.176195
XLOC_018701	HIST1H4K	chr6:27798951-27799305	0.303322	0.913683	1.59084	0.621662
XLOC_009031	TCAP	chr17:37821598-37822807	0.104517	0.315936	1.5959	1
XLOC_004998	GLIPR1L2	chr12:75784849-75826177	0.040891	0.123692	1.5969	1
XLOC_001343	LOC729059	chr1:23337326-23342343	0.115092	0.348379	1.59786	1
XLOC_004253	FADS1	chr11:61567096-61584529	0.0035958	0.0108872	1.59825	1
XLOC_016749	PDCL2	chr4:56422691-56458379	0.0242765	0.07359	1.59995	1

XLOC_008032	SPN	chr16:29674270-29681823	0.0024751	0.00752052	1.60335	1
XLOC_022283	TYRP1	chr9:12693385-12710266	0.0199838	0.0607603	1.6043	1
XLOC_023522	TCEAL2	chrX:101380659-101382684	0.0128268	0.0390009	1.60434	1
XLOC_016373	IL8	chr4:74606222-74609433	0.0722373	0.219871	1.60584	1
XLOC_014183	MX2	chr21:42733949-42780869	0.0081019	0.0246697	1.60641	1
XLOC_015604	EFHB	chr3:19920965-19975706	0.0123917	0.0378226	1.60988	1
XLOC_009807	PRR15L	chr17:46029333-46035243	0.027583	0.0842051	1.61013	1
XLOC_009234	MILR1	chr17:62461568-62464760	0.126399	0.386073	1.61089	0.468876
XLOC_015502	SNORA63	chr3:186501360-186524484	70.6922	216.239	1.61301	0.848653
XLOC_003019	TMEM254-AS1	chr10:81805988-81852307	0.0173873	0.053275	1.61543	1
XLOC_015022	SLC22A14	chr3:38347444-38359859	0.00976222	0.0299311	1.61636	1
XLOC_002169	KCNH1	chr1:210851656-211307457	0.00198279	0.0060793	1.61637	1
XLOC_008549	LINC00273	chr16:33961051-33962503	0.0470029	0.144278	1.61803	1
XLOC_013975	GTSF1L	chr20:42354800-42355642	0.0236879	0.073043	1.62459	1
XLOC_023116	FNBP1	chr9:132649465-132805473	0.00444209	0.0137257	1.62757	1
XLOC_021240	RPL19P12	chr7:102715327-102789569	0.040041	0.123765	1.62806	1
XLOC_015032	SNORA62	chr3:39448203-39454032	3.90053	12.0566	1.62808	0.840828
XLOC_007796	FLJ42289	chr15:100884661-100890923	0.0300149	0.0937744	1.64352	1
XLOC_022699	FLJ40292	chr9:140513443-140730578	0.013129	0.041043	1.64438	1
XLOC_022932	MIR3651,SNORA63	chr9:94972489-95056038	13.9246	43.6888	1.64963	0.838927
XLOC_012413	RNU4ATAC	chr2:122095351-122407052	4.71672	14.8311	1.65277	0.875256
XLOC_020467	AEBP1	chr7:44143959-44154159	0.00729095	0.0229988	1.65738	1
XLOC_015785	DNAH12	chr3:57327726-57530071	0.00686673	0.0216808	1.65872	1
XLOC_023975	XKRX	chrX:100168430-100183898	0.0119087	0.0376379	1.66017	1
XLOC_004793	FLJ13224	chr12:31433519-31479159	0.0908221	0.288288	1.6664	1
XLOC_018694	HIST1H2BJ	chr6:27100094-27100575	0.872172	2.77093	1.66769	0.170392
XLOC_003980	SNORA54	chr11:2965659-3013607	9.32636	29.6726	1.66975	0.866944
XLOC_003249	LSP1	chr11:1874199-1913493	0.0207994	0.066304	1.67255	1
XLOC_018685	HIST1H1D	chr6:26234439-26235216	0.68831	2.1964	1.67401	0.0617671
XLOC_000412	TMEM61	chr1:55446464-55457966	0.0272773	0.0870707	1.67448	1
XLOC_007127	C15orf55	chr15:34638065-34649931	0.00442833	0.014144	1.67535	1
XLOC_022549	CRB2	chr9:126118447-126141032	0.0257816	0.0825099	1.67823	1
XLOC_023118	QRFP	chr9:133768814-133769225	0.769086	2.46297	1.67918	0.239661
XLOC_018687	HIST1H3F	chr6:26250369-26250835	1.66297	5.33682	1.68222	0.0962745
XLOC_000376	TEX38	chr1:47137496-47139256	0.0234154	0.0751776	1.68284	1
XLOC_012456	YY1P2	chr2:139654893-139656744	0.0158981	0.0511176	1.68497	1
XLOC_016480	SNORA24	chr4:119199916-119200978	27.5909	88.8085	1.6865	0.85253
XLOC_001504	SLC6A9	chr1:44457279-44497164	2.16506	7.04346	1.70188	0.419912
XLOC_008378	ZSCAN10	chr16:3138894-3142861	0.0371997	0.122309	1.71716	1
XLOC_003596	LOC100996455	chr11:64216528-64219128	0.0284484	0.093735	1.72024	1
XLOC_000713	LCE1E	chr1:152758752-152760901	0.0731428	0.241468	1.72304	1
XLOC_006196	GPR18	chr13:99848627-100058554	0.0123723	0.0409135	1.72546	1
XLOC_000679	LINC00568	chr1:150488232-150490508	0.0855778	0.283251	1.72677	1
XLOC_011301	DIRAS1	chr19:2714564-2721390	0.0254214	0.0844664	1.73233	1
XLOC_021564	IDO1	chr8:39771327-39786309	0.011017	0.0366088	1.73245	1
XLOC_013834	SIGLEC1	chr20:3667616-3687775	0.00297564	0.0098955	1.73357	1
XLOC_020736	FAM71F2	chr7:128312345-128323379	0.0538737	0.179307	1.73478	1
XLOC_013393	FAM124B	chr2:225243414-225266711	0.00966868	0.0322773	1.73913	1
XLOC_011850	SIGLEC11	chr19:50452249-50464429	0.0093902	0.0314184	1.74238	1

XLOC_000328	SLC2A1-AS1	chr1:43391045-43449029	0.0172766	0.0581571	1.75114	1
XLOC_004851	SCN8A	chr12:51985019-52206648	0.00132659	0.00446562	1.75114	1
XLOC_008109	CAPNS2	chr16:55542912-55620582	0.0174939	0.0589876	1.75356	1
XLOC_014749	RASL10A	chr22:29708921-29711745	0.193616	0.656336	1.76124	0.323795
XLOC_011360	TNFSF14	chr19:6663147-6670599	0.00542802	0.018402	1.76136	1
XLOC_017826	SMAD5-AS1	chr5:135465202-135518422	0.0340501	0.115456	1.76161	1
XLOC_018675	HIST1H4B	chr6:26027123-26027480	0.852744	2.89846	1.7651	0.218096
XLOC_008351	SNORA64	chr16:2012061-2014827	8.58633	29.2734	1.76948	0.783261
XLOC_006287	DHRS2	chr14:24105572-24114848	0.126278	0.431493	1.77274	0.140686
XLOC_022383	PIP5K1B	chr9:71320615-71624091	0.038156	0.130671	1.77595	1
XLOC_011679	HIPK4	chr19:40885177-40896094	0.0546087	0.187036	1.77611	1
XLOC_010274	LOC727896	chr18:2916991-3011945	0.0093346	0.0321093	1.78233	1
XLOC_011024	SNORD33	chr19:49990810-49995564	65.5687	226.449	1.78811	0.872122
XLOC_013034	FOXI3	chr2:88747725-88752053	0.128466	0.444473	1.79071	0.405553
XLOC_017366	VTRNA1-3	chr5:140105743-140105831	74.139	256.955	1.79321	0.772937
XLOC_012851	LOC100505716	chr2:28004265-28561767	0.0164947	0.0572442	1.79512	1
XLOC_008824	SNORA48	chr17:7465308-7482324	28.0961	97.8323	1.79994	0.817355
XLOC_018132	HIST1H2BN	chr6:27806439-27806888	0.527266	1.84274	1.80525	0.298867
XLOC_005114	OAS2	chr12:113416273-113449528	0.00412236	0.0144186	1.80639	1
XLOC_011052	SPIB	chr19:50922194-50934309	0.0310026	0.108561	1.80805	1
XLOC_014874	SCUBE1	chr22:43599228-43739394	0.00590508	0.0208108	1.8173	1
XLOC_018702	HIST1H2AK	chr6:27805657-27806117	0.201149	0.711975	1.82356	0.559245
XLOC_005102	CUX2	chr12:111471827-111788358	0.00286314	0.0101729	1.82906	1
XLOC_011821	TULP2	chr19:49384221-49401996	0.0108743	0.0388295	1.83624	1
XLOC_002614	CC2D2B	chr10:97471535-97849992	0.00812755	0.0291152	1.84088	1
XLOC_002545	DYDC2	chr10:82095860-82127829	0.00803727	0.0289755	1.85006	1
XLOC_011535	LRRC25	chr19:18501953-18508415	0.00962214	0.0346968	1.85037	1
XLOC_016794	BTC	chr4:75671447-75719882	0.0186001	0.0671993	1.85313	1
XLOC_010992	SYNGR4	chr19:48867650-48879634	0.0684379	0.247476	1.85442	1
XLOC_004675	SCARNA10	chr12:6603297-6641132	0.958709	3.46825	1.85504	0.818092
XLOC_005198	SNORA49	chr12:132434464-132565011	4.73038	17.1182	1.8555	0.852016
XLOC_014965	C3orf20	chr3:14716605-14814543	0.0059208	0.0214669	1.85825	1
XLOC_012341	IL1RL1	chr2:102927961-102968497	0.00578975	0.0211145	1.86666	1
XLOC_001786	HIST2H2BF	chr1:149754244-149783928	0.981433	3.5796	1.86684	0.678647
XLOC_011997	FKBP1AP1	chr19:58336666-58338830	0.0115556	0.0424598	1.8775	1
XLOC_002953	ANK3	chr10:61786055-62493284	0.00155152	0.00571432	1.8809	1
XLOC_006770	PTCSC3	chr14:36539632-36645857	0.0138127	0.0509436	1.8829	1
XLOC_011189	SSC5D	chr19:55999869-56030466	0.00647497	0.0241938	1.90169	1
XLOC_015291	CSTA	chr3:122044010-122060815	0.192123	0.718475	1.90291	0.154835
XLOC_014817	SLC16A8	chr22:38474143-38479170	0.022586	0.0849706	1.91154	1
XLOC_003552	BEST1	chr11:61717355-61735132	0.11136	0.418961	1.91158	0.726353
XLOC_006038	TPTE2P1	chr13:25502892-25542607	0.00494196	0.0186564	1.91652	1
XLOC_018957	OOEP	chr6:74078279-74079515	0.0450236	0.170134	1.91792	1
XLOC_004385	ALG1L9P	chr11:71498556-71524905	0.0468725	0.177614	1.92193	1
XLOC_003719	SNORD15B	chr11:75110534-75133345	14.6772	55.9414	1.93034	0.729672
XLOC_001138	C1orf101	chr1:244624672-244803662	0.0109562	0.0418274	1.9327	1
XLOC_013018	SFTPFB	chr2:85884439-85895864	0.00673032	0.0259028	1.94436	1
XLOC_016075	PEX5L	chr3:179512746-179754841	0.00210862	0.00821029	1.96113	1
XLOC_018246	GGNBP1	chr6:33551475-33561115	0.0271571	0.105938	1.96382	1

XLOC_012639	GPBAR1	chr2:219125737-219128582	0.122969	0.483322	1.97469	0.14504
XLOC_018270	RAB44	chr6:36665627-36700960	0.00905135	0.0357532	1.98187	1
XLOC_016733	CNGA1	chr4:47937993-48014961	0.0110155	0.0435154	1.98199	1
XLOC_018101	HIST1H2BF	chr6:26199786-26200216	0.545971	2.15975	1.98397	0.249574
XLOC_004692	PTPN6	chr12:7055739-7070479	0.0090423	0.0361136	1.99778	1
XLOC_005652	SYCP3	chr12:102091416-102133250	0.0248147	0.0991282	1.9981	1
XLOC_001398	SNORA16A	chr1:28879528-28908366	7.25833	29.1454	2.00556	0.874294
XLOC_010466	AMH	chr19:2249112-2252072	0.160017	0.643972	2.00877	0.637072
XLOC_016240	DEFB131	chr4:9446259-9452240	0.344138	1.39833	2.02264	0.71079
XLOC_008802	ALOX12	chr17:6888441-6915653	0.00810072	0.0331677	2.03366	1
XLOC_008290	LINC00304	chr16:89225627-89230083	0.0257948	0.107412	2.05801	1
XLOC_017895	ARSI	chr5:149675908-149682525	0.0327179	0.136339	2.05904	1
XLOC_000648	HYDIN2	chr1:146310551-146334210	0.00195926	0.00817941	2.06169	1
XLOC_022574	TTC16	chr9:130478357-130497628	0.00693303	0.0290467	2.06682	1
XLOC_003344	CALCB	chr11:15095145-15100177	0.0519714	0.218097	2.06918	1
XLOC_003319	SNORA45	chr11:8703994-8711419	2.63096	11.0548	2.07101	0.799687
XLOC_006105	SNORA31	chr13:45911303-45915297	9.78255	41.1055	2.07105	0.779038
XLOC_008831	EFNB3	chr17:7608519-7614693	0.00658561	0.0277141	2.07323	1
XLOC_010400	DSEL	chr18:65173818-65566856	0.00197083	0.00829673	2.07374	1
XLOC_002613	C10orf131	chr10:97471535-97849992	0.0130631	0.0551748	2.07851	1
XLOC_016747	SRD5A3-AS1	chr4:56212387-56251747	0.0172897	0.073392	2.08571	1
XLOC_014648	KLHDC7B	chr22:50986461-50989452	0.074253	0.318114	2.09902	1
XLOC_005416	MIR1291,SNORA	chr12:49046994-49076035	2.07	8.90854	2.10555	0.818403
XLOC_000357	BTBD19	chr1:45274153-45279801	0.0502058	0.217144	2.11273	1
XLOC_004646	WNT5B	chr12:1726221-1756378	0.0102189	0.0444484	2.1209	1
XLOC_003122	CALHM1	chr10:105213143-105218648	0.00606074	0.026395	2.1227	1
XLOC_012121	CLIP4	chr2:29338307-29406679	0.00933934	0.0410182	2.13487	1
XLOC_021163	HEPACAM2	chr7:92817898-92855782	0.00695139	0.0307662	2.14597	1
XLOC_013776	BIRC7	chr20:61867275-61871854	0.021601	0.0961516	2.15421	1
XLOC_000421	HOOK1	chr1:60280532-60342050	0.00234909	0.0106264	2.17748	1
XLOC_005838	ALOX5AP	chr13:31287614-31338565	0.0229985	0.104669	2.18623	1
XLOC_008825	SNORD10	chr17:7465308-7482324	8.38677	38.4468	2.19668	0.739517
XLOC_022329	C9orf131	chr9:35041101-35045988	0.0100801	0.0466827	2.21137	1
XLOC_003324	SNORA23	chr11:9406168-9469674	3.80633	17.703	2.21752	0.853094
XLOC_012136	RASGRP3	chr2:33661415-33789798	0.0241687	0.112412	2.21759	1
XLOC_013369	IHH	chr2:219919141-219925238	0.0311535	0.145704	2.22557	1
XLOC_022183	KCNQ3	chr8:133133104-133493004	0.00173134	0.00816435	2.23745	1
XLOC_020625	MYH16	chr7:98870923-98895594	0.00712091	0.03444	2.27395	1
XLOC_012666	ASIC4	chr2:220378891-220403494	0.00843276	0.0408371	2.2758	1
XLOC_004285	CHRM1	chr11:62676150-62689012	0.00812321	0.0393988	2.27803	1
XLOC_002131	KISS1	chr1:204159468-204165619	0.0645304	0.315163	2.28805	1
XLOC_010950	LOC388553	chr19:46242887-46262748	0.0230456	0.112579	2.28837	1
XLOC_009233	SNORA76	chr17:62223698-62223831	3.57456	17.5427	2.29503	0.692349
XLOC_018320	LOC100132354	chr6:43858764-43905944	0.0111847	0.0554389	2.30937	1
XLOC_004608	ROBO4	chr11:124754113-124767831	0.0523717	0.261978	2.32259	1
XLOC_011227	ZNF549	chr19:58038692-58052244	0.0047479	0.0237859	2.32474	1
XLOC_009244	SNORA38B	chr17:65714060-65740266	2.37572	11.9044	2.32506	0.828523
XLOC_021464	C8orf12,TDH	chr8:11197145-11324276	0.0141831	0.0716979	2.33776	1
XLOC_023440	MSN	chrX:64887510-64961793	0.00407569	0.0206173	2.33874	1

XLOC_018134	HIST1H2BO	chr6:27861202-27861669	0.38603	1.98639	2.36337	0.218807
XLOC_014446	LOC648691	chr22:22901755-22909007	0.00504487	0.0261754	2.37532	1
XLOC_020717	CPED1	chr7:120628750-120937498	0.00327932	0.0170419	2.37762	1
XLOC_008250	LOC100129617	chr16:81478774-81745367	0.012445	0.0651559	2.38834	1
XLOC_013966	SNORA71A	chr20:37049238-37064018	8.77254	46.0211	2.39123	0.810183
XLOC_018121	HIST1H2AH	chr6:27114860-27115341	0.494589	2.60924	2.39932	0.150629
XLOC_016604	KLKB1	chr4:187148671-187179625	0.0084404	0.0448769	2.41059	1
XLOC_007179	CKMT1A	chr15:43985083-43991420	0.023738	0.127153	2.4213	1
XLOC_008908	EPN2-IT1	chr17:19140689-19240028	0.0222209	0.119156	2.42286	1
XLOC_022381	FOXD4L3	chr9:70917782-70920000	0.012311	0.0669525	2.44319	1
XLOC_021620	C8orf46	chr8:67405490-67430759	0.00446192	0.0243734	2.44958	1
XLOC_023277	GRPR	chrX:16141423-16171641	0.00623208	0.0344421	2.46639	1
XLOC_007196	HMG2P46	chr15:45774679-45848928	0.00797492	0.0442301	2.47149	1
XLOC_018220	C4A,C4B_2	chr6:31982571-32003195	0.00365937	0.0203979	2.47875	1
XLOC_011220	ZNF304	chr19:57862644-57871265	0.00416076	0.0240842	2.53317	1
XLOC_002433	ALOX5	chr10:45869623-45941567	0.0117587	0.0681148	2.53425	1
XLOC_013268	FRZB	chr2:183698004-183731498	0.00639011	0.0370793	2.5367	1
XLOC_021890	MTUS1	chr8:17501302-17658426	0.00534721	0.0312356	2.54634	1
XLOC_005558	FAM19A2	chr12:62102028-62586620	0.00547772	0.032107	2.55124	1
XLOC_017285	LOC100505841	chr5:121495870-121518358	0.10565	0.622325	2.55838	0.495723
XLOC_008537	PYCARD	chr16:31212806-31214097	0.0982681	0.594143	2.59601	0.643053
XLOC_002357	OLAH	chr10:15085894-15115851	0.0324025	0.201814	2.63885	1
XLOC_013436	COL6A3	chr2:238232654-238322850	0.00269859	0.0168773	2.64481	1
XLOC_021944	MBOAT4	chr8:29920257-30108213	0.0160956	0.101694	2.6595	1
XLOC_012787	SNORA80B	chr2:10580507-10588453	4.79158	30.5646	2.67329	0.726747
XLOC_007862	SNORA78	chr16:2014996-2015505	5.72788	36.6498	2.67773	0.814274
XLOC_001262	MASP2	chr1:11086579-11107296	0.0369953	0.238164	2.68654	1
XLOC_013967	SNORA71C	chr20:37049238-37064018	2.5869	18.2337	2.81732	0.77849
XLOC_015284	STXBPL5	chr3:120627049-121143608	0.00145279	0.0103921	2.83859	1
XLOC_003823	NCAM1	chr11:112831968-113149158	0.00262938	0.0197658	2.91022	1
XLOC_015943	SNORA7B	chr3:129101676-129118282	1.81894	13.8575	2.9295	0.809839
XLOC_021177	LOC100506136	chr7:96250968-96293650	0.0123636	0.0947868	2.93859	1
XLOC_015250	CD96	chr3:111260925-111371206	0.00317937	0.0244285	2.94175	1
XLOC_021677	ESRP1	chr8:95653363-95719694	0.00562988	0.0440175	2.9669	1
XLOC_014605	RNU12	chr22:43011250-43011399	1.08878	8.82569	3.019	0.643686
XLOC_018162	HCG9	chr6:29942891-29946177	0.0380793	0.313335	3.04063	1
XLOC_024198	FAM223B	chrX:153860738-153861448	0.0302911	0.249394	3.04146	1
XLOC_001307	MFAP2	chr1:17300998-17308081	0.290675	2.41715	3.05583	0.586149
XLOC_004625	TP53AIP1	chr11:128804626-128813294	0.0252771	0.222523	3.13805	1
XLOC_005526	MIP	chr12:56843285-56848435	0.00633319	0.0564802	3.15674	1
XLOC_003849	TMEM25	chr11:118401802-118436791	0.0100747	0.0898604	3.15695	1
XLOC_022331	ATP8B5P	chr9:35406751-35483026	0.00537259	0.0491527	3.19358	1
XLOC_001093	HIST3H2BB	chr1:228645807-228646259	0.0755136	0.699731	3.21199	0.642563
XLOC_004075	SNORD97	chr11:10818592-10830582	2.50001	25.8651	3.371	0.838902
XLOC_012284	SNORD94	chr2:86333304-86369280	1.80731	19.1607	3.40624	0.759419
XLOC_015031	SNORA6	chr3:39448203-39454032	1.07301	13.5362	3.65708	0.730966
XLOC_013159	ANKRD30BL	chr2:132905163-133015542	0.0135457	0.174773	3.68957	1
XLOC_017364	VTRNA1-1	chr5:140090860-140090958	0	64.7828 inf		0.284835
XLOC_011010	SNAR-G1	chr19:49540276-49540404	0	7.25033 inf		0.284835

XLOC_000353	SNORD46	chr1:45241245-45244412	0	45.0279	inf	0.334498
XLOC_014836	SNORD83A	chr22:39708886-39715670	0	73.5686	inf	0.35293
XLOC_011026	SNORD35A	chr19:49990810-49995564	0	216.72	inf	0.371058
XLOC_012608	SNORA41	chr2:207024317-207027653	0	6.90113	inf	0.384403
XLOC_011023	SNORD32A	chr19:49990810-49995564	0	263.188	inf	0.438784
XLOC_022636	SNORD36A	chr9:136215068-136218280	0	166.462	inf	0.444192
XLOC_008942	SNORD4A	chr17:27046999-27053949	0	316.469	inf	0.451834
XLOC_018506	SNORD100	chr6:133135707-133138703	0	195.994	inf	0.452338
XLOC_017494	MIR4634	chr5:174178736-174178790	0	4568.78	inf	0.45742
XLOC_020392	SNORD93	chr7:22896231-22896305	0	237.212	inf	0.45742
XLOC_007651	SNORD16	chr15:66791652-66797193	0	46.8943	inf	0.472023
XLOC_010975	SNORD23	chr19:48248792-48260323	0	13.6296	inf	0.472269
XLOC_002033	SNORD80	chr1:173832385-173837125	0	1184.91	inf	0.477384
XLOC_000464	SNORD45A	chr1:76251878-76260775	0	246.46	inf	0.581347
XLOC_021047	SNORA9	chr7:45022626-45026259	0	9.39267	inf	0.585998
XLOC_010571	SNORD105B	chr19:10216898-10230599	0	47.6524	inf	0.587084
XLOC_001397	SNORA44	chr1:28879528-28908366	0	7.09215	inf	0.59519
XLOC_004281	SNORD28	chr11:62619459-62623360	0	255.029	inf	0.600393
XLOC_013965	SNORA71B	chr20:37049238-37064018	0	3.82051	inf	0.605249
XLOC_004282	SNORD27	chr11:62619459-62623360	0	589.746	inf	0.607271
XLOC_010373	SNORA37	chr18:51677970-51751158	0	18.927	inf	0.607733
XLOC_002047	SCARNA3	chr1:175913966-176176370	0	2.62792	inf	0.621348
XLOC_021050	SNORA5A	chr7:45139698-45151346	0	4.21818	inf	0.622746
XLOC_023305	SCARNA23	chrX:24712063-25015102	0	5.71138	inf	0.629512
XLOC_007714	LOC91450	chr15:78285574-78286567	0	0.0408273	inf	1
XLOC_004463	SNORA32	chr11:93464144-93464265	0	5.41223	inf	1
XLOC_009885	MIR4737	chr17:58120385-58120466	0	84.566	inf	1
XLOC_008538	PYDC1	chr16:31225341-31236510	0	0.226971	inf	1
XLOC_000055	ESPN	chr1:6484847-6521004	0	0.0346764	inf	1
XLOC_000066	CA6	chr1:9005892-9035148	0	0.0123305	inf	1
XLOC_000117	CTRC	chr1:15764937-15773153	0	0.0293885	inf	1
XLOC_000127	C1orf64	chr1:16330730-16333184	0	0.0198972	inf	1
XLOC_000225	THEMIS2	chr1:28199054-28213193	0	0.024563	inf	1
XLOC_000234	RAB42	chr1:28918711-28921088	0	0.0367801	inf	1
XLOC_000246	TINAGL1	chr1:32042085-32053287	0	0.0214413	inf	1
XLOC_000257	LCK	chr1:32716839-32751766	0	0.0105531	inf	1
XLOC_000260	ZBTB8B	chr1:32930657-32953459	0	0.00298985	inf	1
XLOC_000325	LOC100129924	chr1:43253660-43263901	0	0.0473277	inf	1
XLOC_000329	FAM183A	chr1:43613593-43622067	0	0.0300573	inf	1
XLOC_000384	FOXE3	chr1:47881743-47883724	0	0.0387979	inf	1
XLOC_000423	MGC34796	chr1:62119913-62121800	0	0.00694343	inf	1
XLOC_000476	IFI44L	chr1:79086087-79111830	0	0.00241978	inf	1
XLOC_000477	IFI44	chr1:79115476-79129763	0	0.0148843	inf	1
XLOC_000479	PRKACB	chr1:84543744-84704181	0	0.00608478	inf	1
XLOC_000490	CLCA3P	chr1:87099958-87121059	0	0.0057119	inf	1
XLOC_000496	GBP6	chr1:89829435-89853719	0	0.00207468	inf	1
XLOC_000503	BRDT	chr1:92414927-92479985	0	0.0066294	inf	1
XLOC_000586	CHIAP2	chr1:111823145-111828730	0	0.0075232	inf	1
XLOC_000622	HAO2	chr1:119911401-119936751	0	0.0100332	inf	1

XLOC_000671	CA14	chr1:150230217-150237480	0	0.00736879	inf	1
XLOC_000776	RHBG	chr1:156338979-156355013	0	0.0686654	inf	1
XLOC_000788	CD1D	chr1:158149736-158156216	0	0.00316362	inf	1
XLOC_000809	ATP1A2	chr1:160085519-160113374	0	0.00334225	inf	1
XLOC_000818	LY9	chr1:160765863-160798045	0	0.00573682	inf	1
XLOC_000827	PCP4L1	chr1:161228516-161255240	0	0.0135667	inf	1
XLOC_000834	FCRLA	chr1:161676761-161684142	0	0.0210896	inf	1
XLOC_000855	MAEL	chr1:166958518-166991447	0	0.0423953	inf	1
XLOC_000953	CFHR5	chr1:196946666-196978803	0	0.00325721	inf	1
XLOC_000986	OPTC	chr1:203463270-203478077	0	0.0129057	inf	1
XLOC_000997	CNTN2	chr1:205012339-205047171	0	0.00370263	inf	1
XLOC_001004	AVPR1B	chr1:206224282-206231482	0	0.0157339	inf	1
XLOC_001013	IL24	chr1:207070787-207095378	0	0.00867236	inf	1
XLOC_001015	C4BPB	chr1:207262211-207273337	0	0.0146889	inf	1
XLOC_001022	LOC148696	chr1:207991723-207995941	0	0.00306003	inf	1
XLOC_001024	CAMK1G	chr1:209757044-209787284	0	0.0057	inf	1
XLOC_001066	FAM177B	chr1:222910557-222924002	0	0.0115729	inf	1
XLOC_001116	LOC100506810	chr1:234859788-234867390	0	0.00768584	inf	1
XLOC_001133	SDCCAG8	chr1:243419306-244006886	0	0.00400989	inf	1
XLOC_001261	C1orf127	chr1:11006529-11042094	0	0.0060232	inf	1
XLOC_001270	NPPB	chr1:11917520-11918992	0	0.047988	inf	1
XLOC_001356	CNR2	chr1:24200459-24239817	0	0.00856937	inf	1
XLOC_001358	MYOM3	chr1:24382530-24438665	0	0.00247551	inf	1
XLOC_001375	AIM1L	chr1:26648349-26680621	0	0.00432945	inf	1
XLOC_001395	SNORD99	chr1:28879528-28908366	0	75.8489	inf	1
XLOC_001467	POU3F1	chr1:38509522-38512450	0	0.0410058	inf	1
XLOC_001489	EDN2	chr1:41944445-41950344	0	0.0234275	inf	1
XLOC_001491	GUCA2A	chr1:42628361-42630395	0	0.0361498	inf	1
XLOC_001499	C1orf210	chr1:43747556-43751288	0	0.0169766	inf	1
XLOC_001529	CYP4Z2P	chr1:47308766-47366147	0	0.00824694	inf	1
XLOC_001586	LINC00466	chr1:63624753-63782901	0	0.0134364	inf	1
XLOC_001641	GBP1	chr1:89517986-89531043	0	0.0164501	inf	1
XLOC_001690	C1orf194	chr1:109648572-109656479	0	0.0188768	inf	1
XLOC_001736	CASQ2	chr1:116242625-116311426	0	0.00402217	inf	1
XLOC_001789	HIST2H2AA3	chr1:149813784-149814318	0	0.0894848	inf	1
XLOC_001853	S100A5	chr1:153509622-153514241	0	0.0603153	inf	1
XLOC_001875	KCNN3	chr1:154669941-154842754	0	0.00169125	inf	1
XLOC_001907	VHLL	chr1:156268414-156269428	0	0.0163423	inf	1
XLOC_001962	CD48	chr1:160648535-160681641	0	0.0104468	inf	1
XLOC_001984	SH2D1B	chr1:162365055-162381928	0	0.00431908	inf	1
XLOC_002050	SEC16B	chr1:177898241-177939050	0	0.00785134	inf	1
XLOC_002055	NPHS2	chr1:179334854-179545084	0	0.00814995	inf	1
XLOC_002063	TEDDM1	chr1:182367251-182369751	0	0.0130043	inf	1
XLOC_002070	NCF2	chr1:183524696-183560056	0	0.00594625	inf	1
XLOC_002086	B3GALT2	chr1:193091087-193223942	0	0.00268012	inf	1
XLOC_002107	TNNI1	chr1:201372894-201390874	0	0.00210942	inf	1
XLOC_002121	LOC401980	chr1:202955579-202976393	0	0.00982197	inf	1
XLOC_002130	REN	chr1:204123943-204135465	0	0.0249927	inf	1
XLOC_002132	GOLT1A	chr1:204167287-204183220	0	0.0758153	inf	1

XLOC_002157	PIGR	chr1:207101866-207119811	0	0.016117	inf	1
XLOC_002159	C1orf116	chr1:207191865-207206101	0	0.00228666	inf	1
XLOC_002213	LEFTY2	chr1:226124297-226129083	0	0.00857513	inf	1
XLOC_002245	SNRPD2P2	chr1:231611509-231612271	0	0.0253793	inf	1
XLOC_002341	CELF2	chr10:11047258-11378672	0	0.00227606	inf	1
XLOC_002442	CTSL1P2	chr10:48155942-48158691	0	0.0342414	inf	1
XLOC_002450	WDFY4	chr10:49893517-50191001	0	0.00141464	inf	1
XLOC_002562	FAM25A	chr10:88780045-88784487	0	0.0626594	inf	1
XLOC_002625	ANKRD2	chr10:99332255-99343641	0	0.0192262	inf	1
XLOC_002652	TLX1	chr10:102891060-102897546	0	0.00986966	inf	1
XLOC_002694	ADRA2A	chr10:112836789-112840662	0	0.012142	inf	1
XLOC_002744	HMX2	chr10:124907637-124910188	0	0.0164035	inf	1
XLOC_002782	TUBB8	chr10:92827-95178	0	0.0151633	inf	1
XLOC_002817	CCDC3	chr10:12938624-13043704	0	0.00585397	inf	1
XLOC_002841	NEBL	chr10:21068902-21463852	0	0.00440104	inf	1
XLOC_002886	ZNF33BP1	chr10:38065453-38147012	0	0.0207703	inf	1
XLOC_002898	TMEM72-AS1	chr10:45306471-45455137	0	0.0212374	inf	1
XLOC_002910	HNRNPA1P33	chr10:47096453-47151400	0	0.0655368	inf	1
XLOC_002916	GDF2	chr10:48413091-48416853	0	0.0108981	inf	1
XLOC_002927	VSTM4	chr10:50222332-50323559	0	0.0141847	inf	1
XLOC_002968	TACR2	chr10:71163957-71176674	0	0.0372633	inf	1
XLOC_002977	PRF1	chr10:72357103-72362531	0	0.0477399	inf	1
XLOC_002981	C10orf105	chr10:73156690-73575704	0	0.00463691	inf	1
XLOC_003009	DUSP13	chr10:76854189-76868970	0	0.0533402	inf	1
XLOC_003012	KCNMA1	chr10:78629358-79397577	0	0.00601305	inf	1
XLOC_003037	FAS-AS1	chr10:90694830-90775542	0	0.0334203	inf	1
XLOC_003154	EMX2OS	chr10:119243803-119309057	0	0.00162328	inf	1
XLOC_003187	ADAM12	chr10:127702901-128077127	0	0.00196137	inf	1
XLOC_003303	OR2AG1	chr11:6806247-6807245	0	0.0148511	inf	1
XLOC_003307	OR2D3	chr11:6942232-6943225	0	0.0150238	inf	1
XLOC_003355	SAA1	chr11:18287807-18291523	0	0.0563441	inf	1
XLOC_003375	BBOX1	chr11:27062508-27149354	0	0.00568389	inf	1
XLOC_003417	ACCSL	chr11:44069530-44081527	0	0.0100781	inf	1
XLOC_003437	F2	chr11:46740742-46761056	0	0.0166326	inf	1
XLOC_003514	OR10V2P	chr11:59516284-59517054	0	0.058949	inf	1
XLOC_003522	MS4A14	chr11:60163486-60185228	0	0.00445733	inf	1
XLOC_003532	ZP1	chr11:60635014-60643164	0	0.0119538	inf	1
XLOC_003535	CD6	chr11:60739112-60787848	0	0.00865215	inf	1
XLOC_003589	KCNK4	chr11:64058792-64067503	0	0.0167595	inf	1
XLOC_003627	SNX32	chr11:65601409-65621172	0	0.0106629	inf	1
XLOC_003641	TMEM151A	chr11:66059372-66064135	0	0.0308099	inf	1
XLOC_003686	KRTAP5-7	chr11:71238312-71239210	0	0.0299199	inf	1
XLOC_003703	P2RY6	chr11:72975569-73009664	0	0.0574837	inf	1
XLOC_003729	OMP	chr11:76777991-76837198	0	0.0535851	inf	1
XLOC_003786	C11orf70	chr11:101918168-101955291	0	0.00561034	inf	1
XLOC_003796	ELMOD1	chr11:107461816-107537505	0	0.00411799	inf	1
XLOC_003811	C11orf88	chr11:111385509-111407756	0	0.0206134	inf	1
XLOC_003815	C11orf52,HSPB2	chr11:111783459-111797595	0	0.0240542	inf	1
XLOC_003830	NNMT	chr11:114166534-114183238	0	0.00943794	inf	1

XLOC_003848	TTC36	chr11:118398209-118401740	0	0.0896546	inf	1
XLOC_003854	UPK2	chr11:118827007-118829269	0	0.0310428	inf	1
XLOC_003905	PATE4	chr11:125703210-125709967	0	0.00517466	inf	1
XLOC_003907	DDX25	chr11:125774260-125793006	0	0.026172	inf	1
XLOC_003929	GLB1L3	chr11:134146274-134189458	0	0.012107	inf	1
XLOC_003943	MIR210	chr11:565656-568457	0	7.12532	inf	1
XLOC_003960	KRTAP5-2	chr11:1490684-1785501	0	0.0177485	inf	1
XLOC_004095	USH1C	chr11:17515441-17565963	0	0.0284979	inf	1
XLOC_004127	MPPED2	chr11:30406039-30607930	0	0.0130004	inf	1
XLOC_004153	SYT13	chr11:45261852-45307884	0	0.0128937	inf	1
XLOC_004154	CHST1	chr11:45669238-45687206	0	0.011651	inf	1
XLOC_004165	SNORD67	chr11:46765083-46867859	0	6.81531	inf	1
XLOC_004365	ALDH3B2	chr11:67429632-67448685	0	0.00967915	inf	1
XLOC_004444	CCDC89	chr11:85394892-85397320	0	0.0149383	inf	1
XLOC_004472	VSTM5	chr11:93553734-93583668	0	0.0437359	inf	1
XLOC_004499	LOC643733	chr11:104772275-104788902	0	0.182955	inf	1
XLOC_004501	CASP5	chr11:104864966-104893895	0	0.0972967	inf	1
XLOC_004530	C11orf34	chr11:112118875-112131583	0	0.00815253	inf	1
XLOC_004545	APOA4	chr11:116691417-116694011	0	0.0254954	inf	1
XLOC_004552	FXVD2,FXVD6,FX	chr11:117690789-117748201	0	0.00881018	inf	1
XLOC_004587	CLMP	chr11:122943032-123066007	0	0.00941839	inf	1
XLOC_004619	KIRREL3	chr11:126293395-126870766	0	0.0097848	inf	1
XLOC_004630	ADAMTS8	chr11:130274817-130298539	0	0.0146456	inf	1
XLOC_004640	IQSEC3	chr12:176048-287625	0	0.00283035	inf	1
XLOC_004645	LOC100292680	chr12:1609656-1613590	0	0.0486701	inf	1
XLOC_004712	A2ML1	chr12:8975149-9029381	0	0.00311529	inf	1
XLOC_004727	KLRD1	chr12:10457049-10469850	0	0.0108538	inf	1
XLOC_004748	H2AFJ	chr12:14927269-14930936	0	0.0133869	inf	1
XLOC_004770	C12orf39	chr12:21679255-21684210	0	0.191914	inf	1
XLOC_004819	C12orf54	chr12:48876285-48890297	0	0.0139707	inf	1
XLOC_004853	ACVRL1	chr12:52301201-52317145	0	0.00376168	inf	1
XLOC_005047	FAM71C	chr12:99039077-100378432	0	0.00646951	inf	1
XLOC_005054	ANO4	chr12:101188373-101522419	0	0.00417165	inf	1
XLOC_005061	ASCL1	chr12:103351451-103354294	0	0.00791247	inf	1
XLOC_005111	RPH3A	chr12:113229548-113336684	0	0.00871831	inf	1
XLOC_005130	HSPB8	chr12:119616594-119632551	0	0.0103369	inf	1
XLOC_005146	P2RX7	chr12:121570621-121624354	0	0.0049558	inf	1
XLOC_005182	LOC100507206	chr12:127215246-127256808	0	0.0142482	inf	1
XLOC_005194	MMP17	chr12:132312940-132336316	0	0.0154342	inf	1
XLOC_005282	CLECL1	chr12:9868455-9885895	0	0.00719013	inf	1
XLOC_005288	CLEC7A	chr12:10269375-10282868	0	0.00766012	inf	1
XLOC_005311	TAS2R30	chr12:10998447-11328619	0	0.0132035	inf	1
XLOC_005353	BCAT1	chr12:24962957-25102393	0	0.00262562	inf	1
XLOC_005392	NELL2	chr12:44902057-45307711	0	0.0280971	inf	1
XLOC_005417	SNORA2A	chr12:49046994-49076035	0	2.11758	inf	1
XLOC_005426	WNT10B	chr12:49359122-49365641	0	0.00789248	inf	1
XLOC_005435	C1QL4	chr12:49726199-49730971	0	0.0135353	inf	1
XLOC_005441	FAIM2	chr12:50260678-50297760	0	0.00348963	inf	1
XLOC_005453	BIN2	chr12:51674821-51717938	0	0.0149896	inf	1

XLOC_005460	KRT83	chr12:52708084-52715182	0	0.0142174	inf	1
XLOC_005464	KRT75	chr12:52817853-52828110	0	0.00734829	inf	1
XLOC_005480	KRT78	chr12:53232745-53242778	0	0.00906256	inf	1
XLOC_005500	GPR84	chr12:54756228-54758270	0	0.0105213	inf	1
XLOC_005562	DPY19L2	chr12:63952692-64062354	0	0.00403551	inf	1
XLOC_005566	WIF1	chr12:65444403-65515346	0	0.00589247	inf	1
XLOC_005585	TSPAN8	chr12:71518876-71551779	0	0.0235722	inf	1
XLOC_005607	TSPAN19	chr12:85408093-85430055	0	0.011394	inf	1
XLOC_005622	LUM	chr12:91497231-91505542	0	0.00504737	inf	1
XLOC_005684	USP30-AS1	chr12:109489845-109525831	0	0.154438	inf	1
XLOC_005701	MYL2	chr12:111348623-111358404	0	0.0779445	inf	1
XLOC_005714	SDS	chr12:113830250-113841692	0	0.0220092	inf	1
XLOC_005746	HNF1A-AS1	chr12:121407640-121410095	0	0.00770205	inf	1
XLOC_005762	HCAR2	chr12:123185839-123187904	0	0.0144142	inf	1
XLOC_005764	HCAR1	chr12:123212152-123215129	0	0.00475876	inf	1
XLOC_005786	FLJ31485	chr12:130636137-130646223	0	0.00651954	inf	1
XLOC_005790	GALNT9	chr12:132680916-132905905	0	0.0266669	inf	1
XLOC_005823	WASF3	chr13:27131839-27263082	0	0.00530706	inf	1
XLOC_005874	DNAJC15	chr13:43597361-43683306	0	0.00624925	inf	1
XLOC_005974	NALCN-AS1	chr13:101360578-102068813	0	0.00612729	inf	1
XLOC_005998	F7	chr13:113760101-113774995	0	0.0296622	inf	1
XLOC_006005	GRK1	chr13:114321596-114438637	0	0.00824843	inf	1
XLOC_006015	TPTE2	chr13:19997018-20135714	0	0.00857971	inf	1
XLOC_006034	ANKRD20A19P	chr13:24481422-24523454	0	0.0167767	inf	1
XLOC_006081	STOML3	chr13:39540061-39564996	0	0.00627892	inf	1
XLOC_006096	EPST11	chr13:43460523-43566407	0	0.0136422	inf	1
XLOC_006110	CPB2	chr13:46626982-46679211	0	0.0164782	inf	1
XLOC_006121	LINC00462	chr13:49151109-49155037	0	0.0128255	inf	1
XLOC_006132	RNASEH2B-AS1	chr13:51456514-51544596	0	0.0589771	inf	1
XLOC_006157	CTAGE11P	chr13:75811888-75814517	0	0.00780677	inf	1
XLOC_006173	MIR4500HG	chr13:88096241-88323218	0	0.0063441	inf	1
XLOC_006190	RNF113B	chr13:98795433-99102023	0	0.0188892	inf	1
XLOC_006208	CCDC168	chr13:103381716-103411422	0	0.000391036	inf	1
XLOC_006268	RNASE8	chr14:21526051-21526516	0	0.056301	inf	1
XLOC_006313	COCH	chr14:31343740-31359822	0	0.00413363	inf	1
XLOC_006378	DACT1	chr14:59100785-59115038	0	0.00841228	inf	1
XLOC_006412	RDH12	chr14:68168602-68201168	0	0.00833849	inf	1
XLOC_006475	TSHR	chr14:81421868-81612646	0	0.0323344	inf	1
XLOC_006496	CHGA	chr14:93389444-93401638	0	0.00954971	inf	1
XLOC_006510	SERPINA3	chr14:95078713-95090390	0	0.00830208	inf	1
XLOC_006517	C14orf132	chr14:96505660-96560226	0	0.00171561	inf	1
XLOC_006628	DIO3	chr14:102027687-102029789	0	0.010515	inf	1
XLOC_006642	SNORA28	chr14:103800338-103811361	0	3.00352	inf	1
XLOC_006648	LINC00637	chr14:104314057-104324386	0	0.0102523	inf	1
XLOC_006650	ASPG	chr14:104552022-104579046	0	0.0118979	inf	1
XLOC_006688	RNASE11,RNASE	chr14:21051051-21058982	0	0.00598168	inf	1
XLOC_006724	MYH7	chr14:23881946-23904870	0	0.00342856	inf	1
XLOC_006741	ADCY4	chr14:24787554-24804277	0	0.00532081	inf	1
XLOC_006753	LOC100506071	chr14:31343740-31359822	0	0.00530861	inf	1

XLOC_006807	TRIM9	chr14:51441980-51562422	0	0.00403447	inf	1
XLOC_006808	FRMD6-AS2	chr14:51921229-52197444	0	0.025487	inf	1
XLOC_006873	SLC10A1	chr14:70242551-70264006	0	0.0399066	inf	1
XLOC_006930	TTC7B	chr14:91006931-91282761	0	0.00616006	inf	1
XLOC_006952	SERPINA6	chr14:94770584-94789688	0	0.0088253	inf	1
XLOC_007007	OR4N3P	chr15:22413461-22414395	0	0.0168781	inf	1
XLOC_007018	NPAP1	chr15:24920540-24928593	0	0.00213095	inf	1
XLOC_007112	DKFZP434L187	chr15:30488238-30506743	0	0.00250614	inf	1
XLOC_007116	HERC2P10	chr15:31110238-31119986	0	0.0334616	inf	1
XLOC_007174	ADAL	chr15:43622871-43646096	0	0.00419657	inf	1
XLOC_007214	DCAF13P3	chr15:51200868-51298097	0	0.0312802	inf	1
XLOC_007234	LDHAL6B	chr15:59428167-59665071	0	0.0162561	inf	1
XLOC_007238	C2CD4A	chr15:62359175-62363116	0	0.0116383	inf	1
XLOC_007282	NR2E3	chr15:72102893-72110597	0	0.0446589	inf	1
XLOC_007317	ODF3L1	chr15:76016318-76032418	0	0.0316678	inf	1
XLOC_007323	PSTPIP1	chr15:77287464-77329671	0	0.0153908	inf	1
XLOC_007357	UBE2Q2P2,UBE2	chr15:83023772-83084729	0	0.0154501	inf	1
XLOC_007373	LOC100506874	chr15:85070426-85123412	0	0.00437093	inf	1
XLOC_007412	SV2B	chr15:91643181-91844539	0	0.00104056	inf	1
XLOC_007416	ASB9P1	chr15:93338713-93340338	0	0.00755689	inf	1
XLOC_007451	GOLGA8DP	chr15:22702284-22715728	0	0.00196978	inf	1
XLOC_007495	ACTC1	chr15:35080296-35087927	0	0.00465687	inf	1
XLOC_007529	PLA2G4D	chr15:42359880-42386752	0	0.00644061	inf	1
XLOC_007559	DUOXA1	chr15:45406522-45422075	0	0.0444445	inf	1
XLOC_007632	RASL12	chr15:65337707-65360388	0	0.00617611	inf	1
XLOC_007638	IGDCC3	chr15:65619464-65670378	0	0.00527521	inf	1
XLOC_007658	ITGA11	chr15:68594041-68724492	0	0.00819575	inf	1
XLOC_007721	ADAMTS7	chr15:79051544-79103773	0	0.00571074	inf	1
XLOC_007723	RASGRF1	chr15:79252288-79383215	0	0.00543845	inf	1
XLOC_007738	LOC440297	chr15:82944792-82986427	0	0.00233538	inf	1
XLOC_007743	AP3B2	chr15:83211950-83378635	0	0.0112403	inf	1
XLOC_007762	NTRK3	chr15:88419987-88814297	0	0.00796325	inf	1
XLOC_007785	LOC100144604	chr15:93111047-93115493	0	0.00657588	inf	1
XLOC_007789	LOC91948	chr15:98285845-98417659	0	0.0176917	inf	1
XLOC_007826	C16orf11	chr16:610421-615529	0	0.0268669	inf	1
XLOC_007827	NHLRC4	chr16:617031-619495	0	0.0359699	inf	1
XLOC_007845	CACNA1H	chr16:1203240-1275254	0	0.0105	inf	1
XLOC_007852	TMEM204	chr16:1543351-1662109	0	0.0149855	inf	1
XLOC_008014	IL21R	chr16:27413482-27464714	0	0.00315217	inf	1
XLOC_008031	SLX1A,SLX1B,SU	chr16:29464913-29478899	0	0.0150509	inf	1
XLOC_008052	ITGAL	chr16:30483982-30534506	0	0.00282314	inf	1
XLOC_008061	MIR762	chr16:30899115-30905399	0	78.3877	inf	1
XLOC_008113	GNAO1	chr16:56225250-56391356	0	0.0237669	inf	1
XLOC_008132	SLC12A3	chr16:56899118-56949762	0	0.00361428	inf	1
XLOC_008329	C1QTNF8	chr16:1138225-1146244	0	0.00684443	inf	1
XLOC_008372	PRSS30P	chr16:2889573-2892752	0	0.00801674	inf	1
XLOC_008401	SEPT12	chr16:4827614-4846492	0	0.0120732	inf	1
XLOC_008453	ACSM2B	chr16:20548082-20587695	0	0.00456199	inf	1
XLOC_008667	PKD1L3	chr16:71928310-72033877	0	0.00222393	inf	1

XLOC_008741	LOC100506388	chr17:62179-202633	0	0.0242096	inf	1
XLOC_008798	ALOX15P1	chr17:6561037-6564701	0	0.0264293	inf	1
XLOC_008950	CRYBA1	chr17:27573874-27581502	0	0.0177046	inf	1
XLOC_008992	UNC45B	chr17:33474835-33516364	0	0.0071556	inf	1
XLOC_009132	MYL4	chr17:45286427-45301045	0	0.0284454	inf	1
XLOC_009155	NXPH3	chr17:47653297-47661171	0	0.0027845	inf	1
XLOC_009195	LPO	chr17:56315786-56345879	0	0.0078151	inf	1
XLOC_009215	TBX4	chr17:59533806-59561664	0	0.00848772	inf	1
XLOC_009219	MRC2	chr17:60704761-60770962	0	0.00472766	inf	1
XLOC_009267	CD300A	chr17:72462521-72480937	0	0.00733779	inf	1
XLOC_009290	ITGB4	chr17:73717515-73753899	0	0.00675539	inf	1
XLOC_009402	SPATA22	chr17:3343305-3375142	0	0.0265045	inf	1
XLOC_009410	ATP2A3	chr17:3827162-3867758	0	0.00702139	inf	1
XLOC_009415	GGT6	chr17:4460221-4463876	0	0.00638324	inf	1
XLOC_009416	ALOX15	chr17:4534213-4544960	0	0.00851793	inf	1
XLOC_009441	SLC13A5	chr17:6588038-6616740	0	0.00680453	inf	1
XLOC_009495	GAS7	chr17:9813925-10101868	0	0.00167716	inf	1
XLOC_009504	MAGOH2	chr17:10616638-10718481	0	0.0329125	inf	1
XLOC_009524	KRT16P2	chr17:16733796-16736147	0	0.0101989	inf	1
XLOC_009531	SMCR5	chr17:17584786-17740325	0	0.0138805	inf	1
XLOC_009601	OMG	chr17:29421944-29704695	0	0.0128136	inf	1
XLOC_009603	EVI2A	chr17:29421944-29704695	0	0.0170028	inf	1
XLOC_009616	SLC35G3	chr17:33519538-33521412	0	0.0115337	inf	1
XLOC_009635	TBC1D3C	chr17:34581084-34592032	0	0.0112889	inf	1
XLOC_009675	CCR7	chr17:38710021-38721736	0	0.0106122	inf	1
XLOC_009689	KRTAP3-3	chr17:39149681-39150385	0	0.136073	inf	1
XLOC_009696	KRTAP2-1	chr17:39202795-39203568	0	0.0408858	inf	1
XLOC_009697	KRTAP2-2	chr17:39210750-39211463	0	0.134199	inf	1
XLOC_009701	KRTAP4-11	chr17:39273433-39274606	0	0.0502	inf	1
XLOC_009702	KRTAP4-12	chr17:39279344-39280419	0	0.0535441	inf	1
XLOC_009763	SOST	chr17:41831098-41836156	0	0.00715652	inf	1
XLOC_009768	PYY	chr17:42030106-42081837	0	0.0196499	inf	1
XLOC_009817	MIR10A	chr17:46657199-46657309	0	5.1502	inf	1
XLOC_009838	DLX3	chr17:48067368-48072588	0	0.0064246	inf	1
XLOC_009849	LINC00483	chr17:48838394-48844876	0	0.0146126	inf	1
XLOC_009858	MTVR2	chr17:54961462-54962274	0	0.0237043	inf	1
XLOC_009866	MPO	chr17:56347216-56358296	0	0.00525941	inf	1
XLOC_009872	HSF5	chr17:56497528-56565759	0	0.00285261	inf	1
XLOC_009918	MIR5047	chr17:62494373-62502484	0	12.7523	inf	1
XLOC_010158	AQP4-AS1	chr18:24432007-24765302	0	0.00502478	inf	1
XLOC_010186	SLC14A2	chr18:42792946-43263060	0	0.00389269	inf	1
XLOC_010187	SLC14A1	chr18:43304091-43332485	0	0.00406857	inf	1
XLOC_010233	SERPINB2	chr18:61554938-61571124	0	0.0118286	inf	1
XLOC_010246	C18orf63	chr18:71983109-72026422	0	0.00189295	inf	1
XLOC_010270	LINC00470	chr18:1268311-1359630	0	0.00920669	inf	1
XLOC_010276	DLGAP1	chr18:3496029-4455266	0	0.00235468	inf	1
XLOC_010277	C18orf42	chr18:5143671-5197255	0	0.00474703	inf	1
XLOC_010357	ZBTB7C	chr18:45553638-45663680	0	0.00417878	inf	1
XLOC_010402	CD226	chr18:67530192-67624232	0	0.013875	inf	1

XLOC_010407	LOC400655	chr18:70821292-70931733	0	0.00648588	inf	1
XLOC_010434	AZU1	chr19:827830-832017	0	0.045374	inf	1
XLOC_010486	GIPC3	chr19:3585568-3593539	0	0.0070422	inf	1
XLOC_010550	CERS4	chr19:8274216-8327304	0	0.0104588	inf	1
XLOC_010566	RDH8	chr19:10123924-10132954	0	0.0131136	inf	1
XLOC_010646	SYDE1	chr19:15218213-15236577	0	0.0192384	inf	1
XLOC_010688	SLC5A5	chr19:17982781-18005983	0	0.00516609	inf	1
XLOC_010696	MIR3188	chr19:18392886-18392971	0	63.7142	inf	1
XLOC_010782	HAMP	chr19:35773409-35776045	0	0.191678	inf	1
XLOC_010784	CD22	chr19:35820071-35838264	0	0.0252371	inf	1
XLOC_010795	UPK1A	chr19:36157714-36169367	0	0.140355	inf	1
XLOC_010808	OVOL3	chr19:36602104-36616849	0	0.0999575	inf	1
XLOC_010885	CEACAM6	chr19:42259397-42276113	0	0.0042614	inf	1
XLOC_010902	TEX101	chr19:43892762-43922767	0	0.0121318	inf	1
XLOC_010957	HIF3A	chr19:46720994-46846690	0	0.00850691	inf	1
XLOC_011019	LOC100507003	chr19:49929687-49932075	0	0.0337671	inf	1
XLOC_011028	SNORD35B	chr19:49999621-50002969	0	30.7989	inf	1
XLOC_011062	KLK2	chr19:51376688-51383823	0	0.00393284	inf	1
XLOC_011156	CACNG6	chr19:54495541-54515920	0	0.0509844	inf	1
XLOC_011199	NLRP8	chr19:56459197-56499995	0	0.00450307	inf	1
XLOC_011307	C19orf77	chr19:3474404-3480540	0	0.0352012	inf	1
XLOC_011344	FUT6	chr19:5830636-5839742	0	0.0142692	inf	1
XLOC_011364	EMR4P	chr19:6952510-6990857	0	0.0130766	inf	1
XLOC_011375	CD209	chr19:7804880-7812464	0	0.00396967	inf	1
XLOC_011377	LOC388499	chr19:7943516-7945117	0	0.0272172	inf	1
XLOC_011400	ZNF560	chr19:9577030-9609279	0	0.0036382	inf	1
XLOC_011421	S1PR5	chr19:10623417-10628668	0	0.0125159	inf	1
XLOC_011468	LYL1	chr19:13209841-13213974	0	0.0166273	inf	1
XLOC_011524	NXNL1	chr19:17566233-17571725	0	0.103419	inf	1
XLOC_011526	INSL3	chr19:17927321-17932383	0	0.0702916	inf	1
XLOC_011567	ZNF43	chr19:21987750-22034870	0	0.00644177	inf	1
XLOC_011568	ZNF208	chr19:22148896-22193745	0	0.000968668	inf	1
XLOC_011592	SCGB2B2	chr19:35084345-35085490	0	0.0520671	inf	1
XLOC_011605	UPK1A-AS1	chr19:36157714-36169367	0	0.030246	inf	1
XLOC_011656	FBXO17	chr19:39432041-39466380	0	0.0578072	inf	1
XLOC_011694	LOC100505495	chr19:41960073-42006554	0	0.00453875	inf	1
XLOC_011697	LYPD4	chr19:42341149-42348508	0	0.00926743	inf	1
XLOC_011713	PSG8	chr19:43256838-43269831	0	0.0171331	inf	1
XLOC_011715	PSG1	chr19:43370612-43383871	0	0.00544695	inf	1
XLOC_011718	PSG11	chr19:43511808-43530631	0	0.0097173	inf	1
XLOC_011720	PSG5	chr19:43671894-43690688	0	0.0183724	inf	1
XLOC_011751	CKM	chr19:45809670-45826235	0	0.00988918	inf	1
XLOC_011766	RSPH6A	chr19:46298967-46318605	0	0.00758424	inf	1
XLOC_011827	CGB1	chr19:49538825-49540191	0	0.0508382	inf	1
XLOC_011831	KCNA7	chr19:49570674-49576198	0	0.00824896	inf	1
XLOC_011876	SNORD88A	chr19:51300960-51307974	0	13.4121	inf	1
XLOC_011887	KLK10	chr19:51515999-51523431	0	0.00459147	inf	1
XLOC_011888	KLK11	chr19:51525486-51531290	0	0.0419887	inf	1
XLOC_011899	SIGLEC10	chr19:51913274-51921057	0	0.0227961	inf	1

XLOC_011901	SIGLEC12	chr19:51994612-52005043	0	0.00877262	inf	1
XLOC_011989	DUXA	chr19:57663093-57678856	0	0.0156731	inf	1
XLOC_012026	SNTG2	chr2:946553-1371384	0	0.00833996	inf	1
XLOC_012034	SOX11	chr2:5832798-5841517	0	0.00159614	inf	1
XLOC_012095	ABHD1	chr2:27346656-27357542	0	0.0339124	inf	1
XLOC_012144	CYP1B1-AS1	chr2:38358246-38408993	0	0.00968201	inf	1
XLOC_012151	SLC8A1-AS1	chr2:40144773-40739575	0	0.0198625	inf	1
XLOC_012173	EPCAM	chr2:47596286-47614167	0	0.0108169	inf	1
XLOC_012185	RPL23AP32	chr2:54683453-54898583	0	0.0341653	inf	1
XLOC_012213	MEIS1	chr2:66662531-66799891	0	0.0054416	inf	1
XLOC_012231	ANKRD53	chr2:71205574-71212629	0	0.0368655	inf	1
XLOC_012251	DCTN1-AS1	chr2:74588280-74621008	0	0.00590158	inf	1
XLOC_012266	CTNNA2	chr2:79740059-80875988	0	0.00928229	inf	1
XLOC_012280	GNLY	chr2:85921413-85925875	0	0.0334188	inf	1
XLOC_012295	TEX37	chr2:88824168-88829103	0	0.0301256	inf	1
XLOC_012297	ANKRD36BP2	chr2:89065418-89106109	0	0.0147954	inf	1
XLOC_012339	IL1R1	chr2:102770401-102796334	0	0.00535891	inf	1
XLOC_012359	SULT1C2	chr2:108905094-108926371	0	0.00377235	inf	1
XLOC_012411	INHBB	chr2:121103718-121109383	0	0.00559114	inf	1
XLOC_012432	AMER3	chr2:131513076-131525707	0	0.00341252	inf	1
XLOC_012436	LOC440910	chr2:132036862-132057392	0	0.014412	inf	1
XLOC_012461	PABPC1P2	chr2:147344624-147348558	0	0.00294454	inf	1
XLOC_012485	TBR1	chr2:162272619-162281573	0	0.0196159	inf	1
XLOC_012495	NOSTRIN	chr2:169643048-169721849	0	0.00704827	inf	1
XLOC_012525	HOXD11	chr2:176972083-176974316	0	0.0607547	inf	1
XLOC_012549	FSIP2	chr2:186603354-186698016	0	0.00126751	inf	1
XLOC_012675	KCNE4	chr2:223916647-223920357	0	0.00433212	inf	1
XLOC_012758	GAL3ST2	chr2:242716239-242743702	0	0.0323753	inf	1
XLOC_012764	FAM150B	chr2:279560-288308	0	0.0133106	inf	1
XLOC_012813	LOC645949	chr2:21910305-21933524	0	0.00739089	inf	1
XLOC_012831	OTOF	chr2:26680070-26781566	0	0.00365005	inf	1
XLOC_012874	CYP1B1	chr2:38294745-38303323	0	0.00359145	inf	1
XLOC_012879	LOC375196	chr2:39146503-39202590	0	0.0268742	inf	1
XLOC_012909	NRXN1	chr2:50145642-51259674	0	0.0031611	inf	1
XLOC_012920	EFEMP1	chr2:56093096-56151298	0	0.00367221	inf	1
XLOC_012929	LOC339803	chr2:61368726-61372110	0	0.00491415	inf	1
XLOC_012943	LOC400958	chr2:65128973-65159581	0	0.00378222	inf	1
XLOC_012967	ADD2	chr2:70889215-70995375	0	0.00355701	inf	1
XLOC_012999	TACR1	chr2:75273589-75426645	0	0.00256296	inf	1
XLOC_013028	PLGLB2	chr2:87140934-87248973	0	0.00349544	inf	1
XLOC_013055	FAM178B	chr2:97541618-97652301	0	0.0318187	inf	1
XLOC_013066	LYG2	chr2:99858710-99871570	0	0.0673489	inf	1
XLOC_013087	ST6GAL2	chr2:107418055-107503563	0	0.00512554	inf	1
XLOC_013110	IL1A	chr2:113531491-113542971	0	0.0216446	inf	1
XLOC_013118	LOC100499194	chr2:114735245-114764887	0	0.00762923	inf	1
XLOC_013121	EN1	chr2:119599746-119605759	0	0.00926401	inf	1
XLOC_013154	WTH3DI	chr2:132118064-132121731	0	0.00316826	inf	1
XLOC_013160	MIR663B	chr2:132905163-133015542	0	8.78578	inf	1
XLOC_013161	LYPD1	chr2:133174146-133429070	0	0.0203177	inf	1

XLOC_013187	LOC100144595	chr2:154728425-155313950	0	0.00719223	inf	1
XLOC_013204	FAP	chr2:163027199-163100045	0	0.00374083	inf	1
XLOC_013238	WIPF1	chr2:175424301-175547627	0	0.0106355	inf	1
XLOC_013287	DNAH7	chr2:196602426-196933536	0	0.00314899	inf	1
XLOC_013298	BOLL	chr2:198591602-198650938	0	0.00389075	inf	1
XLOC_013349	LINC00607	chr2:216476285-216708259	0	0.00308186	inf	1
XLOC_013368	CCDC108	chr2:219866936-219906245	0	0.0102451	inf	1
XLOC_013409	LOC151475	chr2:231555635-231565244	0	0.00968156	inf	1
XLOC_013414	SNORA75	chr2:232319458-232329205	0	1.58364	inf	1
XLOC_013434	ASB18	chr2:237103514-237172988	0	0.0356519	inf	1
XLOC_013447	MGC16025	chr2:239969863-240322643	0	0.00782259	inf	1
XLOC_013466	BOK-AS1	chr2:242483800-242513553	0	0.0263796	inf	1
XLOC_013482	C20orf202	chr20:1184097-1188918	0	0.0156435	inf	1
XLOC_013488	TGM3	chr20:2276612-2321725	0	0.00765473	inf	1
XLOC_013503	UBOX5-AS1	chr20:3087556-3140556	0	0.0104856	inf	1
XLOC_013551	SLC24A3	chr20:19193289-19703541	0	0.0141572	inf	1
XLOC_013558	PAX1	chr20:21686296-21699124	0	0.00414559	inf	1
XLOC_013587	TTLL9	chr20:30458504-30530858	0	0.0220919	inf	1
XLOC_013651	ADIG	chr20:37209837-37217104	0	0.0229498	inf	1
XLOC_013679	PI3	chr20:43803539-43805185	0	0.0343429	inf	1
XLOC_013704	LINC00494	chr20:46988653-46999381	0	0.00333652	inf	1
XLOC_013722	TSHZ2	chr20:51588945-52111869	0	0.000933691	inf	1
XLOC_013728	CASS4	chr20:54987167-55034396	0	0.0091566	inf	1
XLOC_013751	CDH26	chr20:58533470-58588168	0	0.0181462	inf	1
XLOC_013753	LOC284757	chr20:58713547-58897314	0	0.00900993	inf	1
XLOC_013783	C20orf195	chr20:62184372-62188035	0	0.0507901	inf	1
XLOC_013798	MYT1	chr20:62795826-62873606	0	0.00373469	inf	1
XLOC_013805	TCF15	chr20:584636-590910	0	0.026286	inf	1
XLOC_013930	PXMP4	chr20:32290549-32308136	0	0.01345	inf	1
XLOC_013942	FAM83C	chr20:33873533-33880225	0	0.0163781	inf	1
XLOC_013944	GDF5	chr20:34021148-34026027	0	0.0102669	inf	1
XLOC_013976	JPH2	chr20:42740336-42816218	0	0.00593228	inf	1
XLOC_013993	EPPIN,EPPIN-WF	chr20:44162835-44176065	0	0.00877266	inf	1
XLOC_014020	PTGIS	chr20:48120410-48184707	0	0.00249611	inf	1
XLOC_014025	FAM65C	chr20:49202646-49253426	0	0.0054674	inf	1
XLOC_014028	KCNG1	chr20:49620192-49639675	0	0.0142397	inf	1
XLOC_014032	SALL4	chr20:50400582-50419048	0	0.0090889	inf	1
XLOC_014038	CYP24A1	chr20:52769987-52790516	0	0.00412318	inf	1
XLOC_014041	GCNT7	chr20:55043646-55101208	0	0.0178865	inf	1
XLOC_014061	HRH3	chr20:60790016-60795323	0	0.0136106	inf	1
XLOC_014065	GATA5	chr20:61038552-61051026	0	0.0083362	inf	1
XLOC_014095	MIR3648	chr21:9825831-9826011	0	0.880056	inf	1
XLOC_014123	LINC00189	chr21:30565814-30660526	0	0.0158773	inf	1
XLOC_014138	MRAP	chr21:33664123-33765312	0	0.028771	inf	1
XLOC_014153	LINC00310	chr21:35552977-35562220	0	0.0300789	inf	1
XLOC_014178	PCP4	chr21:41239346-41301322	0	0.0252884	inf	1
XLOC_014310	KCNE1	chr21:35818985-35884573	0	0.00391149	inf	1
XLOC_014317	LOC100133286	chr21:37441939-37498938	0	0.127949	inf	1
XLOC_014376	LINC00163	chr21:46409778-46414001	0	0.0418572	inf	1

XLOC_014447	GGTLC2	chr22:22988781-22990368	0	0.0259198	inf	1
XLOC_014472	TOP1P2	chr22:25115000-25170687	0	0.00773631	inf	1
XLOC_014477	IGLL3P	chr22:25714223-25716193	0	0.027628	inf	1
XLOC_014526	ISX	chr22:35462129-35483380	0	0.00379124	inf	1
XLOC_014537	CSF2RB	chr22:37309674-37336479	0	0.00616358	inf	1
XLOC_014573	CACNA1I	chr22:39966757-40085740	0	0.00530062	inf	1
XLOC_014603	SERHL	chr22:42896584-42915829	0	0.0242295	inf	1
XLOC_014640	MOV10L1	chr22:50528434-50600116	0	0.0139374	inf	1
XLOC_014685	LOC388849	chr22:20136108-20137431	0	0.0451677	inf	1
XLOC_014740	MN1	chr22:28144264-28197486	0	0.00702363	inf	1
XLOC_014780	C22orf24	chr22:32329506-32353590	0	0.0122103	inf	1
XLOC_014886	WNT7B	chr22:46316247-46373008	0	0.00737782	inf	1
XLOC_014994	RBMS3	chr3:29322802-30051886	0	0.00190257	inf	1
XLOC_015066	TGM4	chr3:44916097-44956088	0	0.00569821	inf	1
XLOC_015117	C3orf45	chr3:50316517-50330026	0	0.0263487	inf	1
XLOC_015128	IQCF4	chr3:51851618-51853651	0	0.027233	inf	1
XLOC_015181	FAM19A1	chr3:68040733-68594771	0	0.020212	inf	1
XLOC_015191	FRG2C	chr3:75713480-75716368	0	0.00578861	inf	1
XLOC_015194	ROBO2	chr3:77089293-77699114	0	0.0011631	inf	1
XLOC_015201	EPHA3	chr3:89156673-89531284	0	0.00589387	inf	1
XLOC_015227	GPR128	chr3:100328432-100414323	0	0.00524148	inf	1
XLOC_015262	SIDT1	chr3:113251217-113348422	0	0.00399804	inf	1
XLOC_015268	TIGIT	chr3:114012832-114029135	0	0.0110589	inf	1
XLOC_015279	PLA1A	chr3:119316694-119348658	0	0.0084365	inf	1
XLOC_015308	CCDC37	chr3:126113781-126155398	0	0.00748488	inf	1
XLOC_015353	EPHB1	chr3:134514098-134979307	0	0.00710128	inf	1
XLOC_015404	AADAC	chr3:151347319-151546276	0	0.0127281	inf	1
XLOC_015417	PTX3	chr3:156977531-157221415	0	0.0266651	inf	1
XLOC_015495	AHSG	chr3:186330849-186339107	0	0.0132903	inf	1
XLOC_015514	CLDN16	chr3:190105660-190129932	0	0.00358256	inf	1
XLOC_015630	EPM2AIP1	chr3:37027356-37034795	0	0.002264	inf	1
XLOC_015635	SCN5A	chr3:38589552-38691164	0	0.00194113	inf	1
XLOC_015641	CX3CR1	chr3:39304984-39323226	0	0.00774319	inf	1
XLOC_015651	CYP8B1	chr3:42913683-42917633	0	0.00730446	inf	1
XLOC_015662	SLC6A20	chr3:45796940-45838035	0	0.0108757	inf	1
XLOC_015744	IQCF1	chr3:51928891-51937386	0	0.0990648	inf	1
XLOC_015797	CADPS	chr3:62384020-62861064	0	0.00245749	inf	1
XLOC_015812	LMOD3	chr3:69156038-69171746	0	0.0100534	inf	1
XLOC_015834	STX19	chr3:93698982-93774522	0	0.012761	inf	1
XLOC_015974	PRR23A	chr3:138722803-138725110	0	0.0199934	inf	1
XLOC_015990	PLOD2	chr3:145787227-145879282	0	0.0040598	inf	1
XLOC_015998	TM4SF18	chr3:149036284-149051548	0	0.00419517	inf	1
XLOC_016005	FAM194A	chr3:150377674-150421742	0	0.0226385	inf	1
XLOC_016017	ARHGFE26-AS1	chr3:153742189-153975616	0	0.0458533	inf	1
XLOC_016043	SI	chr3:164696685-164796283	0	0.00149892	inf	1
XLOC_016048	WDR49	chr3:167196472-167371289	0	0.00385568	inf	1
XLOC_016058	SLC7A14	chr3:170177341-170303863	0	0.00254749	inf	1
XLOC_016066	TNFSF10	chr3:172223297-172241297	0	0.0079167	inf	1
XLOC_016106	MASP1	chr3:186933872-187009810	0	0.00661275	inf	1

XLOC_016111	TPRG1-AS2	chr3:188889762-189041271	0	0.0511421	inf	1
XLOC_016162	PDE6B	chr4:619362-664681	0	0.00743094	inf	1
XLOC_016193	NSG1	chr4:4387982-4543775	0	0.0138768	inf	1
XLOC_016197	C4orf6	chr4:5526882-5529527	0	0.0303545	inf	1
XLOC_016214	HTRA3	chr4:8271488-8308838	0	0.0125973	inf	1
XLOC_016241	DRD5	chr4:9783257-9785633	0	0.0128184	inf	1
XLOC_016246	C1QTNF7	chr4:15341559-15447791	0	0.00704697	inf	1
XLOC_016306	ZAR1	chr4:48492308-48496422	0	0.0307625	inf	1
XLOC_016367	SLC4A4	chr4:72053002-72437804	0	0.00203259	inf	1
XLOC_016379	EREG	chr4:75230859-75254477	0	0.00666317	inf	1
XLOC_016397	LOC100505702	chr4:79567147-79605655	0	0.00389649	inf	1
XLOC_016422	SPP1	chr4:88896801-88904563	0	0.0144148	inf	1
XLOC_016454	NPNT	chr4:106816596-106892828	0	0.00601844	inf	1
XLOC_016550	TDO2	chr4:156824844-156841558	0	0.00622484	inf	1
XLOC_016594	STOX2	chr4:184826508-184938875	0	0.00353652	inf	1
XLOC_016717	RBM47	chr4:40425271-40631883	0	0.0515978	inf	1
XLOC_016726	GABRG1	chr4:46037786-46126082	0	0.00137849	inf	1
XLOC_016746	KDR	chr4:55944425-55991762	0	0.00183414	inf	1
XLOC_016756	IGFBP7	chr4:57845108-58071465	0	0.0577976	inf	1
XLOC_016762	GNRHR	chr4:68603098-68621804	0	0.0042475	inf	1
XLOC_016771	UGT2B17	chr4:69402902-69434245	0	0.00509732	inf	1
XLOC_016779	SULT1E1	chr4:70706929-70725870	0	0.0147482	inf	1
XLOC_016781	IGJ	chr4:71521257-71532348	0	0.0236956	inf	1
XLOC_016977	FAM198B	chr4:159045731-159094202	0	0.00865211	inf	1
XLOC_017007	GPM6A	chr4:176554087-176923842	0	0.0150975	inf	1
XLOC_017078	ROPN1L	chr5:10441973-10465138	0	0.0211282	inf	1
XLOC_017111	OSMR	chr5:38845959-38935743	0	0.0086784	inf	1
XLOC_017121	NIM1	chr5:43192169-43280952	0	0.00468113	inf	1
XLOC_017129	FST	chr5:52776263-52782304	0	0.0120197	inf	1
XLOC_017176	PMCHL2	chr5:70671611-70681820	0	0.00583795	inf	1
XLOC_017186	TMEM171	chr5:72416387-72427644	0	0.0140053	inf	1
XLOC_017208	BHMT	chr5:78407603-78428113	0	0.0134737	inf	1
XLOC_017219	CKMT2	chr5:80256507-81047072	0	0.0125137	inf	1
XLOC_017317	SOWAHA	chr5:132149032-132152489	0	0.0112518	inf	1
XLOC_017322	MIR3661	chr5:133532147-133561950	0	19.3829	inf	1
XLOC_017338	MYOT	chr5:137203544-137223540	0	0.00813255	inf	1
XLOC_017339	PKD2L2	chr5:137225124-137368802	0	0.00968351	inf	1
XLOC_017388	PCDHGB8P	chr5:140710251-140892548	0	0.0463384	inf	1
XLOC_017400	POU4F3	chr5:145718586-145720083	0	0.0255755	inf	1
XLOC_017412	ADRB2	chr5:148206155-148208197	0	0.00700471	inf	1
XLOC_017414	AFAP1L1	chr5:148651400-148721367	0	0.00448103	inf	1
XLOC_017423	SLC6A7	chr5:149569519-149590635	0	0.00652961	inf	1
XLOC_017429	IRGM	chr5:150226084-150228231	0	0.0119465	inf	1
XLOC_017441	KIF4B	chr5:154393259-154397685	0	0.00235888	inf	1
XLOC_017443	PPP1R2P3	chr5:156277548-156279539	0	0.00525738	inf	1
XLOC_017481	EFCAB9	chr5:171621175-171630458	0	0.0605016	inf	1
XLOC_017513	SLC34A1	chr5:176811431-176825849	0	0.00918399	inf	1
XLOC_017535	BTNL8	chr5:180326076-180377906	0	0.0108913	inf	1
XLOC_017602	SLC45A2	chr5:33944720-33984780	0	0.00621863	inf	1

XLOC_017613	RANBP3L	chr5:36249103-36302011	0	0.00575309	inf	1
XLOC_017617	GDNF	chr5:37812778-37839782	0	0.00328451	inf	1
XLOC_017634	SEPP1	chr5:42756919-42812024	0	0.00751447	inf	1
XLOC_017690	LOC647859	chr5:70370029-70388897	0	0.0213927	inf	1
XLOC_017703	F2RL2	chr5:75699148-76003957	0	0.00372681	inf	1
XLOC_017705	SNORA47	chr5:76372531-76444176	0	2.25814	inf	1
XLOC_017741	POU5F2	chr5:92919042-93447404	0	0.0793481	inf	1
XLOC_017787	C5orf63	chr5:126378249-126409184	0	0.0024364	inf	1
XLOC_017799	IL5	chr5:131877135-131879214	0	0.0141183	inf	1
XLOC_017806	FSTL4	chr5:132532151-132948223	0	0.00509337	inf	1
XLOC_017829	SPOCK1	chr5:136310986-136835018	0	0.00590237	inf	1
XLOC_017834	NME5	chr5:137450860-137475132	0	0.00885919	inf	1
XLOC_017845	MZB1	chr5:138723256-138725605	0	0.0398181	inf	1
XLOC_017856	CD14	chr5:140011312-140013286	0	0.132971	inf	1
XLOC_017924	ADAM19	chr5:156904311-157002783	0	0.00609365	inf	1
XLOC_017925	SOX30	chr5:157052686-157079428	0	0.00498036	inf	1
XLOC_017984	PROP1	chr5:177419235-177423243	0	0.0108382	inf	1
XLOC_018042	BMP6	chr6:7727010-8102828	0	0.0044641	inf	1
XLOC_018080	NRSN1	chr6:24126413-24147757	0	0.00487748	inf	1
XLOC_018092	HIST1H3A	chr6:26020717-26021186	0	0.265744	inf	1
XLOC_018124	VN1R10P	chr6:27292539-27293741	0	0.00904422	inf	1
XLOC_018311	TTBK1	chr6:43211221-43255997	0	0.00536377	inf	1
XLOC_018323	CAPN11	chr6:44126547-44152139	0	0.00508547	inf	1
XLOC_018338	GPR115	chr6:47666288-47689757	0	0.00874704	inf	1
XLOC_018356	MLIP	chr6:53883713-54131078	0	0.00690842	inf	1
XLOC_018360	GFRAL	chr6:55192266-55267291	0	0.0155199	inf	1
XLOC_018415	TSG1	chr6:94416800-94486199	0	0.00197109	inf	1
XLOC_018426	GRIK2	chr6:101846860-102517958	0	0.00238759	inf	1
XLOC_018434	NR2E1	chr6:108487214-108510013	0	0.00438624	inf	1
XLOC_018437	LINC00222	chr6:109072856-109091145	0	0.0165451	inf	1
XLOC_018495	SMLR1	chr6:131148544-131158276	0	0.00629727	inf	1
XLOC_018518	SLC35D3	chr6:137243401-137246776	0	0.0278624	inf	1
XLOC_018540	GRM1	chr6:146348781-146758731	0	0.00189262	inf	1
XLOC_018563	VIP	chr6:153071931-153080902	0	0.00653178	inf	1
XLOC_018566	TIAM2	chr6:155411422-155635617	0	0.00900336	inf	1
XLOC_018588	SLC22A3	chr6:160769404-160873611	0	0.00397157	inf	1
XLOC_018614	MYLK4	chr6:2663862-2751154	0	0.00819311	inf	1
XLOC_018644	ELOVL2	chr6:10980992-11079377	0	0.00420368	inf	1
XLOC_018706	HIST1H3J	chr6:27858092-27858570	0	0.0673109	inf	1
XLOC_018725	UBD	chr6:29523388-29527702	0	0.019306	inf	1
XLOC_018729	IFITM4P	chr6:29718583-29718925	0	0.0832126	inf	1
XLOC_018748	C6orf15	chr6:31078999-31080332	0	0.0150869	inf	1
XLOC_018877	PRPH2	chr6:42664332-42690358	0	0.00885274	inf	1
XLOC_018885	CRIP3	chr6:43265997-43276530	0	0.0177797	inf	1
XLOC_018931	GCM1	chr6:52991759-53013624	0	0.0132577	inf	1
XLOC_018986	GJB7	chr6:87992696-88052043	0	0.0148702	inf	1
XLOC_019012	SIM1	chr6:100836749-100911551	0	0.0029464	inf	1
XLOC_019045	LOC285758	chr6:114189178-114194512	0	0.00355113	inf	1
XLOC_019093	HMGAI1P7	chr6:134435110-134438818	0	0.0199684	inf	1

XLOC_019108	LOC100130476	chr6:138144806-138204451	0	0.0107568	inf	1
XLOC_019115	TXLNB	chr6:139561198-139613208	0	0.00233648	inf	1
XLOC_019160	OSTCP1	chr6:159262157-159278664	0	0.0831842	inf	1
XLOC_019167	SNORA29	chr6:160181290-160210735	0	1.20387	inf	1
XLOC_019192	C6orf123	chr6:168185218-168197539	0	0.00888635	inf	1
XLOC_020439	BMPER	chr7:33944522-34195484	0	0.00228309	inf	1
XLOC_020475	ADCY1	chr7:45614124-45762714	0	0.00161671	inf	1
XLOC_020544	WBSCR28	chr7:73275488-73280223	0	0.0580057	inf	1
XLOC_020545	ELN	chr7:73442426-73484236	0	0.00851836	inf	1
XLOC_020582	MAGI2-AS3	chr7:77646373-79100524	0	0.00116522	inf	1
XLOC_020645	PVRIG	chr7:99775537-99869855	0	0.106377	inf	1
XLOC_020669	COL26A1	chr7:101006121-101202304	0	0.00898974	inf	1
XLOC_020712	CFTR	chr7:117120016-117308718	0	0.00248114	inf	1
XLOC_020737	FAM71F1	chr7:128355442-128371797	0	0.00738059	inf	1
XLOC_020753	C7orf45	chr7:129847703-129856684	0	0.0464179	inf	1
XLOC_020765	AKR1B15	chr7:134233848-134264592	0	0.0106616	inf	1
XLOC_020775	LOC100130880	chr7:137559724-137686847	0	0.0424002	inf	1
XLOC_020793	TAS2R3	chr7:141463896-141464997	0	0.011816	inf	1
XLOC_020800	PRSS1	chr7:142457318-142460927	0	0.0276563	inf	1
XLOC_020853	GIMAP8	chr7:150147961-150176483	0	0.0029223	inf	1
XLOC_020856	GIMAP2	chr7:150382793-150390728	0	0.0103879	inf	1
XLOC_020871	FABP5P3	chr7:152133979-152140100	0	0.032241	inf	1
XLOC_020874	DPP6	chr7:153584418-154685995	0	0.00316343	inf	1
XLOC_020913	ZNF890P	chr7:5160940-5184177	0	0.00934348	inf	1
XLOC_020996	CRHR2	chr7:30691558-30739719	0	0.0120412	inf	1
XLOC_021045	MYO1G	chr7:45002259-45018704	0	0.0189522	inf	1
XLOC_021051	SNORA5C	chr7:45139698-45151346	0	1.04995	inf	1
XLOC_021067	EGFR-AS1	chr7:55086724-55275031	0	0.00672683	inf	1
XLOC_021070	SEPT14	chr7:55861236-55930482	0	0.00940844	inf	1
XLOC_021078	ZNF479	chr7:57187325-57207571	0	0.00472898	inf	1
XLOC_021100	GTF2IRD2P1	chr7:72656901-72685658	0	0.00413344	inf	1
XLOC_021148	ABCB4	chr7:87031360-87105019	0	0.00290497	inf	1
XLOC_021152	STEAP4	chr7:87905743-87936228	0	0.00264054	inf	1
XLOC_021186	TMEM130	chr7:98444110-98467673	0	0.00822465	inf	1
XLOC_021194	CYP3A7,CYP3A7	chr7:99282301-99332819	0	0.00534171	inf	1
XLOC_021195	CYP3A4	chr7:99354582-99381811	0	0.00546264	inf	1
XLOC_021226	MOGAT3	chr7:100839012-100844302	0	0.0311562	inf	1
XLOC_021271	GPR85	chr7:112720467-112727833	0	0.00337655	inf	1
XLOC_021307	KCP	chr7:128516918-128550773	0	0.00977428	inf	1
XLOC_021324	PLXNA4	chr7:131808090-132333447	0	0.000998152	inf	1
XLOC_021363	TRPV5	chr7:142605647-142630820	0	0.00853757	inf	1
XLOC_021366	OR6W1P	chr7:142759380-142760882	0	0.0100374	inf	1
XLOC_021374	OR2A1	chr7:143929003-143929936	0	0.0526235	inf	1
XLOC_021444	FAM90A10P	chr8:7627105-7628835	0	0.0365905	inf	1
XLOC_021465	BLK	chr8:11351520-11422108	0	0.00954722	inf	1
XLOC_021471	ZNF705D	chr8:11946846-11973025	0	0.00413495	inf	1
XLOC_021561	ADAM5	chr8:39172181-39260375	0	0.00581595	inf	1
XLOC_021600	FAM110B	chr8:58907112-59062277	0	0.00471771	inf	1
XLOC_021624	PREX2	chr8:68864602-69143897	0	0.00289691	inf	1

XLOC_021641	PI15	chr8:75736771-75767264	0	0.0014336	inf	1
XLOC_021692	KCNS2	chr8:99439249-99443023	0	0.00461478	inf	1
XLOC_021698	FLJ42969	chr8:102064281-102088479	0	0.00655454	inf	1
XLOC_021704	BAALC	chr8:104145190-104242533	0	0.0111028	inf	1
XLOC_021707	CTHRC1	chr8:104383742-104395232	0	0.0215508	inf	1
XLOC_021757	TG	chr8:133879204-134147143	0	0.00329177	inf	1
XLOC_021973	ANK1	chr8:41510743-41754280	0	0.0266415	inf	1
XLOC_021977	DKK4	chr8:42231585-42234674	0	0.017857	inf	1
XLOC_022009	LOC100130298	chr8:61878679-61880307	0	0.0356976	inf	1
XLOC_022016	LOC286186	chr8:66439242-66474901	0	0.00452659	inf	1
XLOC_022087	RUNX1T1	chr8:92967194-93115454	0	0.0110412	inf	1
XLOC_022098	LOC100288748	chr8:95649512-95651695	0	0.0099602	inf	1
XLOC_022131	LOC100499183	chr8:104145190-104242533	0	0.0172419	inf	1
XLOC_022133	DPYS	chr8:105391651-105479277	0	0.00911249	inf	1
XLOC_022139	TMEM74	chr8:109795345-109799770	0	0.00908591	inf	1
XLOC_022145	LINC00536	chr8:116962735-117337297	0	0.00366917	inf	1
XLOC_022155	SNTB1	chr8:121547984-121824309	0	0.00232842	inf	1
XLOC_022182	HHLA1	chr8:133073732-133117512	0	0.00395573	inf	1
XLOC_022265	KCNV2	chr9:2717525-2730037	0	0.0139064	inf	1
XLOC_022299	IFNA1	chr9:21440452-21441315	0	0.016335	inf	1
XLOC_022305	LOC100506422	chr9:26066672-26118406	0	0.0088389	inf	1
XLOC_022327	KIAA1045	chr9:34958191-34982541	0	0.0023449	inf	1
XLOC_022371	FAM27C	chr9:44990235-44991492	0	0.0276447	inf	1
XLOC_022378	ANKRD20A4	chr9:69381980-69425109	0	0.00397841	inf	1
XLOC_022382	PGM5	chr9:70970108-71145977	0	0.00569833	inf	1
XLOC_022392	GDA	chr9:74729510-74867140	0	0.00819605	inf	1
XLOC_022412	NTRK2	chr9:87283465-87638505	0	0.00133886	inf	1
XLOC_022425	C9orf47,S1PR3	chr9:91605777-91620069	0	0.00458321	inf	1
XLOC_022626	BARHL1	chr9:135457992-135465640	0	0.0252618	inf	1
XLOC_022689	RNF224	chr9:140122017-140124090	0	0.0385745	inf	1
XLOC_022702	TUBBP5	chr9:141044564-141071885	0	0.0236311	inf	1
XLOC_022726	FLJ41200	chr9:13406378-13431328	0	0.00459448	inf	1
XLOC_022735	FAM154A	chr9:18927890-19033256	0	0.0106415	inf	1
XLOC_022740	SLC24A2	chr9:19507449-19787017	0	0.00141782	inf	1
XLOC_022791	PTENP1	chr9:33673501-33677418	0	0.00811424	inf	1
XLOC_022885	ALDH1A1	chr9:75515577-75568233	0	0.0072215	inf	1
XLOC_022894	GNA14	chr9:80037994-80263232	0	0.0157579	inf	1
XLOC_022925	LOC100129316	chr9:93825575-93837414	0	0.00219602	inf	1
XLOC_022948	FBP2	chr9:97321002-97356075	0	0.0411747	inf	1
XLOC_022954	LINC00092	chr9:98782013-98784037	0	0.0255129	inf	1
XLOC_022965	LOC340508	chr9:99837952-99844227	0	0.0187708	inf	1
XLOC_023031	TNFSF15	chr9:117546914-117568408	0	0.00163456	inf	1
XLOC_023033	TNC	chr9:117781853-117880536	0	0.010247	inf	1
XLOC_023077	ANGPTL2	chr9:129677052-129985445	0	0.0100342	inf	1
XLOC_023155	SOHLH1	chr9:138585254-138591374	0	0.0165708	inf	1
XLOC_023174	LCN10	chr9:139632618-139637411	0	0.0111467	inf	1
XLOC_023232	PLCXD1	chrX:192990-220022	0	0.00425472	inf	1
XLOC_023329	OTC	chrX:38211735-38280703	0	0.0107882	inf	1
XLOC_023454	ARR3	chrX:69488184-69501690	0	0.0102819	inf	1

XLOC_023457	GDPD2	chrX:69642880-69653241	0	0.00713048	inf	1
XLOC_023524	NXF4	chrX:101804892-101826621	0	0.00647253	inf	1
XLOC_023529	RAB40AL	chrX:102192199-102193228	0	0.134185	inf	1
XLOC_023538	TMEM31	chrX:102962271-102983552	0	0.0267954	inf	1
XLOC_023555	VSIG1	chrX:107288199-107322414	0	0.0107612	inf	1
XLOC_023561	RGAG1	chrX:109437413-109699562	0	0.00294777	inf	1
XLOC_023593	AKAP14	chrX:119029935-119054679	0	0.0209754	inf	1
XLOC_023648	SPANXA2-OT1	chrX:140590842-140738069	0	0.00695419	inf	1
XLOC_023679	MAGEA4	chrX:151081360-151093642	0	0.00800148	inf	1
XLOC_023681	MAGEA6	chrX:151867244-151870814	0	0.0119906	inf	1
XLOC_023683	CSAG1	chrX:151903227-151909518	0	0.0226479	inf	1
XLOC_023691	BGN	chrX:152713122-152775004	0	0.00799551	inf	1
XLOC_023693	DUSP9	chrX:152907896-152916781	0	0.021541	inf	1
XLOC_023739	LINC00102	chrX:2527305-2575270	0	0.00819605	inf	1
XLOC_023768	ACE2	chrX:15579155-15620192	0	0.00552084	inf	1
XLOC_023775	BEND2	chrX:18181050-18239024	0	0.00242682	inf	1
XLOC_023779	GPR64	chrX:19007424-19140755	0	0.00231272	inf	1
XLOC_023809	FTH1P18	chrX:37060954-37061867	0	0.0267722	inf	1
XLOC_023824	CXorf36	chrX:45007617-45060146	0	0.00290889	inf	1
XLOC_023886	WNK3	chrX:54219255-54384438	0	0.00218923	inf	1
XLOC_023921	IL2RG	chrX:70327253-70331481	0	0.0120894	inf	1
XLOC_023925	CXCR3	chrX:70430034-70948962	0	0.0155027	inf	1
XLOC_023949	ZDHHC15	chrX:74588261-74743337	0	0.00263115	inf	1
XLOC_023985	TCEAL6	chrX:101394932-101397388	0	0.0119288	inf	1
XLOC_024031	KIAA1210	chrX:118212597-118284542	0	0.00145918	inf	1
XLOC_024065	ACTRT1	chrX:127184940-127186382	0	0.0165778	inf	1
XLOC_024066	SMARCA1	chrX:128580477-128657460	0	0.00378756	inf	1
XLOC_024125	SPANXC	chrX:140335595-140336646	0	0.0524389	inf	1
XLOC_024150	FMR1-AS1	chrX:146990948-147032647	0	0.0134779	inf	1
XLOC_024170	PNMA5	chrX:152157367-152162671	0	0.00826821	inf	1
XLOC_024208	TMLHE-AS1	chrX:154576449-154603823	0	0.00625313	inf	1
XLOC_024304	GYG2P1	chrY:14517914-14533389	0	0.0230603	inf	1
XLOC_023825	MIR221	chrX:45605584-45605694	16.9086	0	#NAME?	0.322071
XLOC_004464	SNORD6	chr11:93464668-93464739	487.812	0	#NAME?	0.42844
XLOC_008951	MIR4523	chr17:27717679-27717748	418.685	0	#NAME?	0.44926
XLOC_009232	SNORD104	chr17:62223437-62223517	115.097	0	#NAME?	0.44926
XLOC_010362	SNORD58C	chr18:47007547-47018935	49.7513	0	#NAME?	0.449418
XLOC_018017	SNORD95	chr5:180663927-180670906	1001.91	0	#NAME?	0.451834
XLOC_010363	SNORD58A	chr18:47007547-47018935	724.526	0	#NAME?	0.45301
XLOC_008944	SNORD4B	chr17:27046999-27053949	376.22	0	#NAME?	0.45332
XLOC_009917	MIR3064	chr17:62494373-62502484	944.449	0	#NAME?	0.510254
XLOC_007550	MIR1282	chr15:44038589-44094769	49.8854	0	#NAME?	0.529439
XLOC_018757	SNORD117	chr6:31496738-31514625	233.028	0	#NAME?	0.54523
XLOC_004278	SNORD31	chr11:62619459-62623360	437.393	0	#NAME?	0.575157
XLOC_011318	MIR637	chr19:3958451-3969826	65.1108	0	#NAME?	0.614625
XLOC_023081	MIR3911	chr9:130374485-130454995	13.7581	0	#NAME?	0.617599
XLOC_022241	MIR1234	chr8:145597730-145634733	82.2439	0	#NAME?	0.631075
XLOC_002753	MIR4484	chr10:127477146-127511837	124.545	0	#NAME?	0.637072
XLOC_022448	MIRLET7D	chr9:96938851-96966848	87.1596	0	#NAME?	0.642802

XLOC_000001	DDX11L1	chr1:11873-29370	0.0114857	0	#NAME?	1
XLOC_000003	LOC100132062.L1	chr1:323891-328581	0.0157779	0	#NAME?	1
XLOC_000128	CLCNKA	chr1:16348485-16360545	0.00910098	0	#NAME?	1
XLOC_000155	CDA	chr1:20915443-20945400	0.0227857	0	#NAME?	1
XLOC_000175	MDS2	chr1:23953823-23967056	0.0209926	0	#NAME?	1
XLOC_000205	LIN28A	chr1:26737268-26756219	0.0174272	0	#NAME?	1
XLOC_000247	HCRTR1	chr1:32083300-32092919	0.0121561	0	#NAME?	1
XLOC_000274	GJB3	chr1:35246789-35251967	0.0115775	0	#NAME?	1
XLOC_000305	TMCO2	chr1:40713572-40717365	0.0364069	0	#NAME?	1
XLOC_000375	MKNK1-AS1	chr1:47004367-47069966	0.00729752	0	#NAME?	1
XLOC_000396	FAM159A	chr1:53099065-53122737	0.0662603	0	#NAME?	1
XLOC_000398	ZYG11A	chr1:53308182-53360247	0.00390931	0	#NAME?	1
XLOC_000417	PRKAA2	chr1:57110989-57181008	0.00190329	0	#NAME?	1
XLOC_000427	ANGPTL3	chr1:62920396-63154039	0.00614961	0	#NAME?	1
XLOC_000429	FOXD3	chr1:63788729-63790797	0.0461299	0	#NAME?	1
XLOC_000447	IL23R	chr1:67632168-67725650	0.00477917	0	#NAME?	1
XLOC_000451	LRRC7	chr1:70225857-70589171	0.00301816	0	#NAME?	1
XLOC_000467	ST6GALNAC3	chr1:76540388-77096669	0.0145099	0	#NAME?	1
XLOC_000481	DNASE2B	chr1:84864214-84880691	0.0171552	0	#NAME?	1
XLOC_000522	FLJ31662	chr1:95940292-95944912	0.00648915	0	#NAME?	1
XLOC_000563	SYPL2	chr1:110009099-110024764	0.012795	0	#NAME?	1
XLOC_000566	GPR61	chr1:110082493-110088455	0.0187339	0	#NAME?	1
XLOC_000625	HSD3BP4	chr1:120106502-120115199	0.00339396	0	#NAME?	1
XLOC_000742	TDRD10	chr1:154474694-154520623	0.0138921	0	#NAME?	1
XLOC_000808	KCNJ9	chr1:160051359-160059212	0.00600484	0	#NAME?	1
XLOC_000816	VANGL2	chr1:160370363-160398468	0.00526402	0	#NAME?	1
XLOC_000829	FCGR2A	chr1:161475204-161489360	0.00870554	0	#NAME?	1
XLOC_000832	HSPA7	chr1:161575848-161578341	0.00865198	0	#NAME?	1
XLOC_000895	GPR52	chr1:174128551-174964445	0.0118842	0	#NAME?	1
XLOC_000954	CRB1	chr1:197170591-197447585	0.0122386	0	#NAME?	1
XLOC_000985	PRELP	chr1:203444882-203460479	0.00888832	0	#NAME?	1
XLOC_000989	LINC00260	chr1:203595914-203713209	0.0322005	0	#NAME?	1
XLOC_000999	LEMD1-AS1	chr1:205342379-205391214	0.0084081	0	#NAME?	1
XLOC_001002	LOC284581	chr1:205831206-205865215	0.0184684	0	#NAME?	1
XLOC_001019	CR1	chr1:207669472-207815110	0.00420424	0	#NAME?	1
XLOC_001026	HSD11B1	chr1:209859524-209908295	0.0267528	0	#NAME?	1
XLOC_001073	CNIH3	chr1:224804178-224928249	0.0379469	0	#NAME?	1
XLOC_001115	LINC00184	chr1:234765056-234770526	0.00839509	0	#NAME?	1
XLOC_001130	KMO	chr1:241695433-241803701	0.00541183	0	#NAME?	1
XLOC_001193	TNFRSF4	chr1:1146705-1149548	0.127781	0	#NAME?	1
XLOC_001207	C1orf233	chr1:1533387-1535476	0.0371248	0	#NAME?	1
XLOC_001224	TTC34	chr1:2572806-2706230	0.0166038	0	#NAME?	1
XLOC_001240	HES2	chr1:6475293-6479979	0.00907841	0	#NAME?	1
XLOC_001251	SLC2A7	chr1:9063358-9086404	0.0183237	0	#NAME?	1
XLOC_001300	SPATA21	chr1:16725137-16763919	0.0134776	0	#NAME?	1
XLOC_001327	PLA2G2D	chr1:20439142-20446059	0.0100823	0	#NAME?	1
XLOC_001436	DLGAP3	chr1:35331036-35370984	0.0121873	0	#NAME?	1
XLOC_001530	CYP4A11	chr1:47394845-47407156	0.0145192	0	#NAME?	1
XLOC_001557	GLIS1	chr1:53971905-54199877	0.00972781	0	#NAME?	1

XLOC_001576	TACSTD2	chr1:59041094-59043166	0.0330328	0	#NAME?	1
XLOC_001626	LPAR3	chr1:85279085-85358896	0.0489722	0	#NAME?	1
XLOC_001666	DPYD	chr1:97543299-98386615	0.00327766	0	#NAME?	1
XLOC_001724	PTPN22	chr1:114356432-114447741	0.00913429	0	#NAME?	1
XLOC_001731	AMPD1	chr1:115215719-115238239	0.00650032	0	#NAME?	1
XLOC_001750	REG4	chr1:120336640-120354203	0.0125679	0	#NAME?	1
XLOC_001818	CELF3	chr1:151672533-151689290	0.0233674	0	#NAME?	1
XLOC_001822	RORC	chr1:151778546-151804348	0.00874211	0	#NAME?	1
XLOC_001832	FLG	chr1:152274650-152297679	0.00313737	0	#NAME?	1
XLOC_001981	RPL31P11	chr1:161653494-161655042	0.0284154	0	#NAME?	1
XLOC_002004	LOC100505918	chr1:168369426-168391894	0.0059214	0	#NAME?	1
XLOC_002010	F5	chr1:169481191-169555769	0.00290113	0	#NAME?	1
XLOC_002012	SELL	chr1:169659805-169680843	0.00665564	0	#NAME?	1
XLOC_002048	ASTN1	chr1:176830202-177134024	0.00222787	0	#NAME?	1
XLOC_002068	NMNAT2	chr1:183217371-183387634	0.00284867	0	#NAME?	1
XLOC_002072	APOBEC4	chr1:183605207-183897666	0.0128376	0	#NAME?	1
XLOC_002089	F13B	chr1:197008320-197036397	0.0129597	0	#NAME?	1
XLOC_002094	LOC100131234	chr1:198777131-198906558	0.0305184	0	#NAME?	1
XLOC_002122	MYOG	chr1:203052256-203055166	0.0145209	0	#NAME?	1
XLOC_002155	IL10	chr1:206940947-206945839	0.0142266	0	#NAME?	1
XLOC_002182	USH2A	chr1:215796235-216596738	0.00291118	0	#NAME?	1
XLOC_002237	AGT	chr1:230838271-230850336	0.010577	0	#NAME?	1
XLOC_002247	DISC2	chr1:231664398-232177019	0.00415797	0	#NAME?	1
XLOC_002313	PRR26	chr10:320129-735608	0.0772987	0	#NAME?	1
XLOC_002324	AKR1C3	chr10:5090957-5149878	0.0130812	0	#NAME?	1
XLOC_002421	ZNF32-AS3	chr10:44124264-44170147	0.0158385	0	#NAME?	1
XLOC_002437	GPRIN2	chr10:46993545-47000568	0.0126359	0	#NAME?	1
XLOC_002464	MTRNR2L5	chr10:57358749-57360487	0.0107902	0	#NAME?	1
XLOC_002475	ZNF365	chr10:64133915-64431771	0.00882354	0	#NAME?	1
XLOC_002503	ADAMTS14	chr10:72432558-72522195	0.00559348	0	#NAME?	1
XLOC_002601	FFAR4	chr10:95326421-95349829	0.0127437	0	#NAME?	1
XLOC_002610	CYP2C9	chr10:96698414-96749148	0.0227851	0	#NAME?	1
XLOC_002627	C10orf62	chr10:99344101-99372555	0.0702301	0	#NAME?	1
XLOC_002634	CNNM1	chr10:101088855-101154087	0.00314545	0	#NAME?	1
XLOC_002642	WNT8B	chr10:102222811-102243399	0.016071	0	#NAME?	1
XLOC_002702	PLEKHS1	chr10:115511212-115542192	0.0119316	0	#NAME?	1
XLOC_002732	BTBD16	chr10:124030820-124097676	0.00981929	0	#NAME?	1
XLOC_002735	ARMS2	chr10:124214178-124216868	0.0338871	0	#NAME?	1
XLOC_002738	FLJ46361	chr10:124516209-124557161	0.0109411	0	#NAME?	1
XLOC_002837	ST8SIA6	chr10:17362675-17496254	0.0151846	0	#NAME?	1
XLOC_002860	LRRRC37A6P	chr10:27534781-27541235	0.00455445	0	#NAME?	1
XLOC_002889	LOC441666	chr10:42827313-42863493	0.00197568	0	#NAME?	1
XLOC_002902	OR13A1	chr10:45798101-45811056	0.00886077	0	#NAME?	1
XLOC_002909	LINC00842	chr10:47096453-47151400	0.00557064	0	#NAME?	1
XLOC_002914	BMS1P6	chr10:47225570-47243511	0.00407454	0	#NAME?	1
XLOC_002915	RBP3	chr10:48381486-48390991	0.00712402	0	#NAME?	1
XLOC_002940	A1CF	chr10:52559168-52645435	0.0142889	0	#NAME?	1
XLOC_002976	NODAL	chr10:72191691-72201465	0.0336343	0	#NAME?	1
XLOC_002999	MYOZ1	chr10:75391369-75401515	0.0113002	0	#NAME?	1

XLOC_003079	CRTAC1	chr10:99609994-99790585	0.00761503	0	#NAME?	1
XLOC_003117	CYP17A1	chr10:104590287-104597290	0.0257826	0	#NAME?	1
XLOC_003197	TCERG1L	chr10:132890654-133109984	0.0119677	0	#NAME?	1
XLOC_003211	SYCE1	chr10:135367403-135383462	0.0285326	0	#NAME?	1
XLOC_003284	OR51I2	chr11:5362112-5526882	0.0267106	0	#NAME?	1
XLOC_003285	OR52D1	chr11:5362112-5526882	0.0185676	0	#NAME?	1
XLOC_003305	OR10A2	chr11:6890985-6891897	0.054471	0	#NAME?	1
XLOC_003331	MRV11-AS1	chr11:10562782-10715535	0.115045	0	#NAME?	1
XLOC_003347	OR7E14P	chr11:17073432-17074591	0.0410275	0	#NAME?	1
XLOC_003359	LDHAL6A	chr11:18477373-18501147	0.0106468	0	#NAME?	1
XLOC_003379	FSHB	chr11:30252562-30256824	0.00843204	0	#NAME?	1
XLOC_003416	C11orf96	chr11:43964105-43965433	0.0846609	0	#NAME?	1
XLOC_003430	CREB3L1	chr11:46299227-46342972	0.0080952	0	#NAME?	1
XLOC_003492	SMTNL1	chr11:57310113-57317747	0.0287024	0	#NAME?	1
XLOC_003521	MS4A7	chr11:60145957-60163426	0.00572508	0	#NAME?	1
XLOC_003570	SLC22A10	chr11:63014620-63330855	0.005868	0	#NAME?	1
XLOC_003573	RARRES3	chr11:63014620-63330855	0.0255635	0	#NAME?	1
XLOC_003614	MIR612	chr11:65211928-65212028	21.6283	0	#NAME?	1
XLOC_003626	OVOL1	chr11:65554504-65564690	0.00708015	0	#NAME?	1
XLOC_003652	SYT12	chr11:66790189-66818334	0.00850091	0	#NAME?	1
XLOC_003683	SHANK2-AS1	chr11:70313960-70935808	0.0165473	0	#NAME?	1
XLOC_003727	B3GNT6	chr11:76745434-76753005	0.0115759	0	#NAME?	1
XLOC_003768	FOLR4	chr11:94038802-94040858	0.0406429	0	#NAME?	1
XLOC_003806	C11orf53	chr11:111126706-111156972	0.0247044	0	#NAME?	1
XLOC_003864	PDZD3	chr11:119056165-119060932	0.0182707	0	#NAME?	1
XLOC_003869	POU2F3	chr11:120107348-120190653	0.0149121	0	#NAME?	1
XLOC_003915	FLI1	chr11:128556429-128683162	0.00632702	0	#NAME?	1
XLOC_003917	BARX2	chr11:129245880-129322174	0.011439	0	#NAME?	1
XLOC_003922	ADAMTS15	chr11:130318868-130346539	0.00724384	0	#NAME?	1
XLOC_004044	OR2D2	chr11:6912804-6913731	0.0219528	0	#NAME?	1
XLOC_004090	PLEKHA7	chr11:16809206-17035963	0.00542138	0	#NAME?	1
XLOC_004119	MUC15	chr11:26353677-26684836	0.0111767	0	#NAME?	1
XLOC_004120	SLC5A12	chr11:26688565-26743574	0.00430089	0	#NAME?	1
XLOC_004143	PAMR1	chr11:35453375-35547176	0.00635101	0	#NAME?	1
XLOC_004150	LOC100507300	chr11:43902356-43942494	0.00903622	0	#NAME?	1
XLOC_004211	PRG2	chr11:57154833-57158130	0.0469611	0	#NAME?	1
XLOC_004251	DKFZP434K028	chr11:61520120-61555989	0.0205887	0	#NAME?	1
XLOC_004382	FLJ42102	chr11:71116791-71134400	0.00830857	0	#NAME?	1
XLOC_004391	PHOX2A	chr11:71935881-71955220	0.0355153	0	#NAME?	1
XLOC_004404	P4HA3	chr11:73977701-74022699	0.00727584	0	#NAME?	1
XLOC_004416	MAP6	chr11:75297962-75379479	0.00841012	0	#NAME?	1
XLOC_004433	TENM4	chr11:78364327-79151695	0.00173024	0	#NAME?	1
XLOC_004453	NOX4	chr11:89057521-89322779	0.0125631	0	#NAME?	1
XLOC_004465	SNORA1	chr11:93465169-93465299	3.10648	0	#NAME?	1
XLOC_004487	MMP7	chr11:102391238-102401478	0.0150686	0	#NAME?	1
XLOC_004503	CARD16	chr11:104912052-104916051	0.0329194	0	#NAME?	1
XLOC_004517	RDX	chr11:110045604-110167437	0.0137928	0	#NAME?	1
XLOC_004520	POU2AF1	chr11:111222980-111250157	0.00677127	0	#NAME?	1
XLOC_004546	APOA1	chr11:116706468-116708338	0.0331967	0	#NAME?	1

XLOC_004560	CD3D	chr11:118209788-118213459	0.0581881	0	#NAME?	1
XLOC_004589	SCN3B	chr11:123499894-123525315	0.00296739	0	#NAME?	1
XLOC_004664	GALNT8	chr12:4829751-4881892	0.01035	0	#NAME?	1
XLOC_004703	NANOG	chr12:7941994-7948655	0.0203444	0	#NAME?	1
XLOC_004711	RIMKLB	chr12:8850517-8929787	0.00252424	0	#NAME?	1
XLOC_004716	LOC100499405	chr12:9392598-9395645	0.0162092	0	#NAME?	1
XLOC_004730	LOC338817	chr12:11700963-11717335	0.00608485	0	#NAME?	1
XLOC_004732	BCL2L14	chr12:12223877-12252627	0.00788463	0	#NAME?	1
XLOC_004763	SLCO1C1	chr12:20848288-20906320	0.00471675	0	#NAME?	1
XLOC_004767	IAPP	chr12:21417533-21548371	0.00813961	0	#NAME?	1
XLOC_004794	DENND5B-AS1	chr12:31535156-31768285	0.112153	0	#NAME?	1
XLOC_004872	AMHR2	chr12:53817638-53825318	0.0134398	0	#NAME?	1
XLOC_005005	OTOGL	chr12:80603232-80772870	0.00204248	0	#NAME?	1
XLOC_005115	DTX1	chr12:113495661-113535833	0.0111001	0	#NAME?	1
XLOC_005129	SRRM4	chr12:119419299-119600856	0.00206843	0	#NAME?	1
XLOC_005156	LRRRC43	chr12:122652265-122688018	0.0417019	0	#NAME?	1
XLOC_005165	LOC100507091	chr12:123468026-123594975	0.00776884	0	#NAME?	1
XLOC_005169	MIR3908	chr12:124020955-124021081	3.09023	0	#NAME?	1
XLOC_005187	GLT1D1	chr12:129338080-129469509	0.0186685	0	#NAME?	1
XLOC_005191	GPR133	chr12:131438451-131626008	0.00992455	0	#NAME?	1
XLOC_005192	LOC116437	chr12:131649555-131697476	0.00685918	0	#NAME?	1
XLOC_005221	LOC100271702	chr12:2038367-2045742	0.0227049	0	#NAME?	1
XLOC_005276	A2M	chr12:9217772-9268558	0.00318134	0	#NAME?	1
XLOC_005305	TAS2R50	chr12:10998447-11328619	0.0233733	0	#NAME?	1
XLOC_005310	TAS2R43	chr12:10998447-11328619	0.0212633	0	#NAME?	1
XLOC_005313	PRB3	chr12:11418856-11422641	0.0181704	0	#NAME?	1
XLOC_005343	SLCO1A2	chr12:21417533-21548371	0.00237185	0	#NAME?	1
XLOC_005366	PTHLH	chr12:28111016-28124916	0.0320242	0	#NAME?	1
XLOC_005376	H3F3C	chr12:31944118-31945175	0.0251672	0	#NAME?	1
XLOC_005388	PRICKLE1	chr12:42852139-42983572	0.00368879	0	#NAME?	1
XLOC_005405	ENDOU	chr12:48103517-48119355	0.0227091	0	#NAME?	1
XLOC_005474	KRT1	chr12:53068519-53074191	0.00665802	0	#NAME?	1
XLOC_005507	DCD	chr12:55038374-55042149	0.0887001	0	#NAME?	1
XLOC_005535	SDR9C7	chr12:57316937-57328189	0.0435684	0	#NAME?	1
XLOC_005577	LOC100130075	chr12:69198216-69199274	0.0194348	0	#NAME?	1
XLOC_005581	LRRRC10	chr12:70002344-70004942	0.0295734	0	#NAME?	1
XLOC_005615	LOC728084	chr12:89404902-89413469	0.00582948	0	#NAME?	1
XLOC_005690	TRPV4	chr12:110220891-110271241	0.00795315	0	#NAME?	1
XLOC_005726	NOS1	chr12:117645946-117799607	0.00208951	0	#NAME?	1
XLOC_005738	PLA2G1B	chr12:120759913-120765592	0.0620833	0	#NAME?	1
XLOC_005748	OASL	chr12:121458094-121477045	0.0114036	0	#NAME?	1
XLOC_005755	HPD	chr12:122277432-122326517	0.0407195	0	#NAME?	1
XLOC_005817	ATP12A	chr13:25254548-25285923	0.0063282	0	#NAME?	1
XLOC_005851	NBEA	chr13:35516423-36705514	0.00291807	0	#NAME?	1
XLOC_005883	SPERT	chr13:46276445-46288693	0.0400736	0	#NAME?	1
XLOC_005892	MLNR	chr13:49794473-49796513	0.0555244	0	#NAME?	1
XLOC_005904	SERPINE3	chr13:51915167-52027275	0.0321511	0	#NAME?	1
XLOC_005907	CCDC70	chr13:52436116-52440372	0.0171913	0	#NAME?	1
XLOC_006007	GAS6-AS1	chr13:114518582-114567046	0.0562955	0	#NAME?	1

XLOC_006043	GPR12	chr13:27329338-27334922	0.00441299	0	#NAME?	1
XLOC_006086	LINC00598	chr13:40921270-41055143	0.0150782	0	#NAME?	1
XLOC_006103	KCTD4	chr13:45694630-45858239	0.00744228	0	#NAME?	1
XLOC_006112	LINC00563	chr13:46870579-46871979	0.0113544	0	#NAME?	1
XLOC_006119	LPAR6	chr13:48877882-49056026	0.00671859	0	#NAME?	1
XLOC_006131	DLEU7	chr13:51286758-51424041	0.0478854	0	#NAME?	1
XLOC_006165	POU4F1	chr13:78628989-79233314	0.00554418	0	#NAME?	1
XLOC_006181	DCT	chr13:95091840-95131936	0.00702782	0	#NAME?	1
XLOC_006192	SLC15A1	chr13:99336054-99404929	0.0122258	0	#NAME?	1
XLOC_006263	RNASE2	chr14:21423629-21424594	0.0245122	0	#NAME?	1
XLOC_006305	NYNRIN	chr14:24867991-24888494	0.00341594	0	#NAME?	1
XLOC_006330	SSTR1	chr14:38677203-38682268	0.00550369	0	#NAME?	1
XLOC_006418	PLEKHD1	chr14:69951470-69995215	0.0111802	0	#NAME?	1
XLOC_006500	UNC79	chr14:93799564-94173689	0.00700614	0	#NAME?	1
XLOC_006691	NDRG2	chr14:21484921-21493935	0.00855201	0	#NAME?	1
XLOC_006722	MYH6	chr14:23851198-23877486	0.00432123	0	#NAME?	1
XLOC_006752	PRKD1	chr14:29896116-30396899	0.00574334	0	#NAME?	1
XLOC_006761	EGLN3	chr14:34393420-34420284	0.00669703	0	#NAME?	1
XLOC_006798	C14orf183	chr14:50550368-50559361	0.0250739	0	#NAME?	1
XLOC_006828	OTX2	chr14:57267424-57277194	0.0103461	0	#NAME?	1
XLOC_006913	ISM2	chr14:77940737-77965210	0.00647185	0	#NAME?	1
XLOC_006971	DEGS2	chr14:100612752-100626012	0.0688622	0	#NAME?	1
XLOC_007019	SNRPN,SNURF	chr15:25068793-25223729	0.0200948	0	#NAME?	1
XLOC_007020	PAR-SN	chr15:25227140-25228937	0.00938048	0	#NAME?	1
XLOC_007021	PAR5	chr15:25230006-25233379	0.00517697	0	#NAME?	1
XLOC_007192	SLC28A2	chr15:45544427-45568132	0.0459993	0	#NAME?	1
XLOC_007217	SCG3	chr15:51973549-52013223	0.00435756	0	#NAME?	1
XLOC_007227	CGNL1	chr15:57668702-57842925	0.00485774	0	#NAME?	1
XLOC_007304	CYP1A2	chr15:75041183-75048941	0.0148237	0	#NAME?	1
XLOC_007335	LOC646938	chr15:79044378-79045734	0.0623146	0	#NAME?	1
XLOC_007366	SH3GL3	chr15:84116090-84287493	0.0123014	0	#NAME?	1
XLOC_007396	MESP2	chr15:90319588-90321982	0.0204424	0	#NAME?	1
XLOC_007480	ULK4P1,ULK4P3	chr15:32698800-32727250	0.0148101	0	#NAME?	1
XLOC_007500	CSNK1A1P1	chr15:36871811-37110707	0.00939671	0	#NAME?	1
XLOC_007572	HDC	chr15:50534145-50558162	0.0285	0	#NAME?	1
XLOC_007636	CILP	chr15:65488336-65503840	0.00855654	0	#NAME?	1
XLOC_007740	AGSK1,LOC7278	chr15:83130032-83182930	0.00811552	0	#NAME?	1
XLOC_007744	LOC338963	chr15:83379222-83382745	0.0205358	0	#NAME?	1
XLOC_007746	FSD2	chr15:83428023-83474806	0.00560586	0	#NAME?	1
XLOC_007968	SYT17	chr16:19179637-19278554	0.0113531	0	#NAME?	1
XLOC_007974	ACSM5	chr16:20420855-20452281	0.0101581	0	#NAME?	1
XLOC_007987	VWA3A	chr16:22103862-22168287	0.00352215	0	#NAME?	1
XLOC_008029	SNX29P2	chr16:29313607-29376380	0.0331531	0	#NAME?	1
XLOC_008057	SNORA30	chr16:30710461-30751450	3.38411	0	#NAME?	1
XLOC_008087	FLJ26245,RNA5S	chr16:34980893-34990995	0.010777	0	#NAME?	1
XLOC_008123	MT1A	chr16:56672577-56673999	0.188507	0	#NAME?	1
XLOC_008125	MT1B	chr16:56685810-56687116	0.225491	0	#NAME?	1
XLOC_008127	MT1H	chr16:56703725-56705041	0.134997	0	#NAME?	1
XLOC_008146	GPR97	chr16:57702156-57723290	0.00728204	0	#NAME?	1

XLOC_008156	CDH5	chr16:66400524-66438689	0.00596489	0	#NAME?	1
XLOC_008166	CES4A	chr16:67022491-67043659	0.00891595	0	#NAME?	1
XLOC_008225	HP	chr16:72088507-72094955	0.0128182	0	#NAME?	1
XLOC_008253	CDH13	chr16:82660398-83830215	0.00564583	0	#NAME?	1
XLOC_008275	FOXC2	chr16:86600856-86602537	0.0272028	0	#NAME?	1
XLOC_008284	IL17C	chr16:88705000-88706882	0.0656167	0	#NAME?	1
XLOC_008318	LINC00235	chr16:576846-577407	0.135791	0	#NAME?	1
XLOC_008328	SSTR5-AS1	chr16:1114081-1131454	0.00852088	0	#NAME?	1
XLOC_008479	LOC100506655	chr16:25123046-25189551	0.00824098	0	#NAME?	1
XLOC_008511	LOC388242	chr16:30204255-30218248	0.0174316	0	#NAME?	1
XLOC_008553	ANKRD26P1	chr16:46503248-46603009	0.00299317	0	#NAME?	1
XLOC_008605	CDH11	chr16:64980682-65155919	0.00543168	0	#NAME?	1
XLOC_008636	DPEP2	chr16:68021292-68033421	0.0117778	0	#NAME?	1
XLOC_008712	FENDRR	chr16:86508130-86542466	0.00504543	0	#NAME?	1
XLOC_008730	SLC22A31	chr16:89262168-89266529	0.0760822	0	#NAME?	1
XLOC_008748	TUSC5	chr17:1182956-1204281	0.00631362	0	#NAME?	1
XLOC_008772	SMTNL2	chr17:4487275-4511614	0.0118674	0	#NAME?	1
XLOC_008792	LOC339166	chr17:5675553-5834016	0.0159272	0	#NAME?	1
XLOC_008881	CCDC144A	chr17:16593638-16678311	0.00210944	0	#NAME?	1
XLOC_008906	GRAPL	chr17:19030781-19062148	0.0241287	0	#NAME?	1
XLOC_008920	KCNJ12,KCNJ18	chr17:21279698-21323179	0.00624927	0	#NAME?	1
XLOC_009008	LHX1	chr17:35294771-35301915	0.0100412	0	#NAME?	1
XLOC_009011	C17orf78	chr17:35441926-35766902	0.0103366	0	#NAME?	1
XLOC_009097	CD300LG	chr17:41924515-41940997	0.00740411	0	#NAME?	1
XLOC_009150	IGF2BP1	chr17:47074773-47133507	0.00203969	0	#NAME?	1
XLOC_009167	MYCBPAP	chr17:48585744-48608862	0.00523173	0	#NAME?	1
XLOC_009170	CACNA1G	chr17:48633567-48704832	0.00434235	0	#NAME?	1
XLOC_009194	EPX	chr17:56270088-56282535	0.0161017	0	#NAME?	1
XLOC_009272	OTOP2	chr17:72920369-72930006	0.0154862	0	#NAME?	1
XLOC_009409	P2RX1	chr17:3799884-3819960	0.00667171	0	#NAME?	1
XLOC_009491	PIK3R5	chr17:8782232-8869029	0.00443294	0	#NAME?	1
XLOC_009546	EPN2-AS1	chr17:19140689-19240028	0.0142597	0	#NAME?	1
XLOC_009550	SLC47A2	chr17:19581627-19620043	0.00887227	0	#NAME?	1
XLOC_009562	NOS2	chr17:26083791-26127555	0.0102762	0	#NAME?	1
XLOC_009621	SLFN14	chr17:33875143-33885110	0.004604	0	#NAME?	1
XLOC_009623	GAS2L2	chr17:34071529-34079897	0.00630977	0	#NAME?	1
XLOC_009632	CCL3	chr17:34415602-34417506	0.0326685	0	#NAME?	1
XLOC_009637	TBC1D3H	chr17:34745935-34757050	0.00865094	0	#NAME?	1
XLOC_009643	HNF1B	chr17:36046433-36105096	0.00979177	0	#NAME?	1
XLOC_009661	STAC2	chr17:37366788-37382040	0.0176335	0	#NAME?	1
XLOC_009664	NEUROD2	chr17:37760020-37764175	0.0151589	0	#NAME?	1
XLOC_009723	KRT19	chr17:39679868-39684641	0.0271339	0	#NAME?	1
XLOC_009727	KRT16	chr17:39766030-39769079	0.0190532	0	#NAME?	1
XLOC_009800	RPRML	chr17:45055521-45056614	0.062195	0	#NAME?	1
XLOC_009837	TAC4	chr17:47915670-47926199	0.0604745	0	#NAME?	1
XLOC_009846	CHAD	chr17:48503518-48552200	0.0139355	0	#NAME?	1
XLOC_009875	C17orf47	chr17:56618947-56621733	0.0304503	0	#NAME?	1
XLOC_009896	TBC1D3P2	chr17:60342066-60353016	0.0139036	0	#NAME?	1
XLOC_009950	BTBD17	chr17:72352554-72357958	0.0253595	0	#NAME?	1

XLOC_009985	FOXJ1	chr17:74132414-74236390	0.0145112	0	#NAME?	1
XLOC_010002	LOC100996291	chr17:76257429-76274573	0.0162005	0	#NAME?	1
XLOC_010031	LOC100130370	chr17:79349698-79359160	0.0270332	0	#NAME?	1
XLOC_010096	EMILIN2	chr18:2847027-2914090	0.00434463	0	#NAME?	1
XLOC_010212	ST8SIA3	chr18:55019720-55036161	0.00182645	0	#NAME?	1
XLOC_010296	MC2R	chr18:13882042-13915535	0.0128527	0	#NAME?	1
XLOC_010323	SLC25A52	chr18:29339658-29340843	0.0148865	0	#NAME?	1
XLOC_010370	MRO	chr18:48321489-48351754	0.00626979	0	#NAME?	1
XLOC_010421	MADCAM1	chr19:496489-505343	0.0238277	0	#NAME?	1
XLOC_010426	HCN2	chr19:589892-617159	0.0698825	0	#NAME?	1
XLOC_010436	ELANE	chr19:852290-856246	0.0442792	0	#NAME?	1
XLOC_010441	GRIN3B	chr19:1000436-1021141	0.0256561	0	#NAME?	1
XLOC_010458	PLK5	chr19:1524072-1535455	0.021212	0	#NAME?	1
XLOC_010479	S1PR4	chr19:3178735-3180330	0.0331177	0	#NAME?	1
XLOC_010490	ATCAY	chr19:3880617-3928080	0.00366992	0	#NAME?	1
XLOC_010493	CREB3L3	chr19:4153597-4173051	0.0067427	0	#NAME?	1
XLOC_010505	MIR7-3HG	chr19:4769116-4772568	0.0302896	0	#NAME?	1
XLOC_010519	LOC100128568	chr19:5978413-6110664	0.0805082	0	#NAME?	1
XLOC_010591	C19orf80	chr19:11309968-11373168	0.0383338	0	#NAME?	1
XLOC_010644	CASP14	chr19:15160290-15169103	0.00708276	0	#NAME?	1
XLOC_010824	ZNF570	chr19:37959981-37976242	0.0155088	0	#NAME?	1
XLOC_010827	LOC6444554	chr19:38308050-38345836	0.0226582	0	#NAME?	1
XLOC_010836	RYR1	chr19:38924339-39078204	0.00198332	0	#NAME?	1
XLOC_010871	CYP2G1P	chr19:41396730-41406413	0.00658766	0	#NAME?	1
XLOC_010892	LOC100505622	chr19:42636780-42641251	0.0348753	0	#NAME?	1
XLOC_010907	IRGC	chr19:44220213-44224169	0.0288753	0	#NAME?	1
XLOC_010932	APOC1P1	chr19:45430059-45434643	0.133826	0	#NAME?	1
XLOC_010954	IGFL2	chr19:46651038-46664561	0.0526806	0	#NAME?	1
XLOC_010960	DACT3-AS1	chr19:47150868-47220384	0.0495698	0	#NAME?	1
XLOC_011016	CD37	chr19:49838676-49865714	0.0241256	0	#NAME?	1
XLOC_011058	GPR32	chr19:51273720-51274989	0.0204661	0	#NAME?	1
XLOC_011091	ERVV-1	chr19:53517343-53519833	0.0177663	0	#NAME?	1
XLOC_011093	ZNF818P	chr19:53716200-53719355	0.00624686	0	#NAME?	1
XLOC_011163	TTYH1	chr19:54926604-54947899	0.0437852	0	#NAME?	1
XLOC_011169	LILRB1	chr19:55128628-55149004	0.0354098	0	#NAME?	1
XLOC_011203	ZNF542	chr19:56879467-56891196	0.00436458	0	#NAME?	1
XLOC_011208	ZFP28	chr19:57050316-57068170	0.00699902	0	#NAME?	1
XLOC_011287	CSNK1G2-AS1	chr19:1941160-1981336	0.0190619	0	#NAME?	1
XLOC_011296	LINGO3	chr19:2289773-2308156	0.0231958	0	#NAME?	1
XLOC_011346	FUT5	chr19:5865836-5870551	0.0245758	0	#NAME?	1
XLOC_011358	TUBB4A	chr19:6494329-6502330	0.0156456	0	#NAME?	1
XLOC_011464	KLF1	chr19:12995236-12998017	0.0201396	0	#NAME?	1
XLOC_011510	CALR3	chr19:16589867-16607003	0.0175973	0	#NAME?	1
XLOC_011571	ZNF99	chr19:22934984-22966973	0.00214209	0	#NAME?	1
XLOC_011599	FAM187B	chr19:35715703-35719628	0.0267825	0	#NAME?	1
XLOC_011618	COX7A1	chr19:36641823-36643771	0.0450129	0	#NAME?	1
XLOC_011622	ZFP82	chr19:36882860-36909550	0.0242768	0	#NAME?	1
XLOC_011640	WDR87	chr19:38375471-38397317	0.00138909	0	#NAME?	1
XLOC_011687	CYP2A6	chr19:41349442-41356352	0.0242071	0	#NAME?	1

XLOC_011723	PSG9	chr19:43757434-43773682	0.0121066	0	#NAME?	1
XLOC_011742	ZNF229	chr19:44930425-44952665	0.00296077	0	#NAME?	1
XLOC_011750	EXOC3L2	chr19:45715878-45737469	0.0494245	0	#NAME?	1
XLOC_011772	PGLYRP1	chr19:46522411-46526556	0.0288554	0	#NAME?	1
XLOC_011781	GNG8	chr19:47137332-47137939	0.38448	0	#NAME?	1
XLOC_011801	CABP5	chr19:48532639-48547311	0.013624	0	#NAME?	1
XLOC_011880	KLKP1	chr19:51385351-51399654	0.0162482	0	#NAME?	1
XLOC_011881	KLK4	chr19:51409607-51413994	0.017607	0	#NAME?	1
XLOC_011898	LOC147646	chr19:51891542-51893828	0.0233374	0	#NAME?	1
XLOC_011906	HAS1	chr19:52216364-52227221	0.0407172	0	#NAME?	1
XLOC_011929	ZNF677	chr19:53738637-53758111	0.00740391	0	#NAME?	1
XLOC_011942	LILRB3	chr19:54720146-54726959	0.0335986	0	#NAME?	1
XLOC_011965	TMEM150B	chr19:55824226-55836708	0.0769646	0	#NAME?	1
XLOC_011982	ZSCAN5B	chr19:56701057-56704421	0.0545921	0	#NAME?	1
XLOC_012039	LOC100506274	chr2:7561391-7590381	0.0172453	0	#NAME?	1
XLOC_012054	LINC00570	chr2:11534106-11543203	0.0126413	0	#NAME?	1
XLOC_012062	VSNL1	chr2:17721806-17837706	0.0185239	0	#NAME?	1
XLOC_012086	KCNK3	chr2:26915580-26954066	0.00565964	0	#NAME?	1
XLOC_012089	DPYSL5	chr2:27070968-27173219	0.00523854	0	#NAME?	1
XLOC_012123	LBH	chr2:30454396-30482899	0.00889172	0	#NAME?	1
XLOC_012142	QPCT	chr2:37571752-37600465	0.0102565	0	#NAME?	1
XLOC_012163	SIX3	chr2:45169036-45173216	0.0147779	0	#NAME?	1
XLOC_012166	TMEM247	chr2:46706703-46711564	0.0602711	0	#NAME?	1
XLOC_012219	ARHGAP25	chr2:68961912-69053957	0.00771001	0	#NAME?	1
XLOC_012229	VAX2	chr2:71127719-71160575	0.0280533	0	#NAME?	1
XLOC_012230	ATP6V1B1	chr2:71162997-71192561	0.0280188	0	#NAME?	1
XLOC_012246	ACTG2	chr2:74120092-74146780	0.0690393	0	#NAME?	1
XLOC_012282	LOC284950	chr2:86042252-86053911	0.00520252	0	#NAME?	1
XLOC_012354	C2orf40	chr2:106682112-106694609	0.034266	0	#NAME?	1
XLOC_012377	FBLN7	chr2:112895961-112945791	0.0279847	0	#NAME?	1
XLOC_012418	PROC	chr2:128175995-128186822	0.0133859	0	#NAME?	1
XLOC_012419	MYO7B	chr2:128293377-128395303	0.00308244	0	#NAME?	1
XLOC_012424	CCDC74B-AS1	chr2:130887195-130902707	0.0237416	0	#NAME?	1
XLOC_012433	ARHGEF4	chr2:131674223-131804836	0.00847905	0	#NAME?	1
XLOC_012439	TUBA3D	chr2:132202795-132360468	0.037616	0	#NAME?	1
XLOC_012492	B3GALT1	chr2:168675181-168727366	0.00658069	0	#NAME?	1
XLOC_012734	KLHL30	chr2:239047362-239061547	0.00677704	0	#NAME?	1
XLOC_013006	REG3A	chr2:79384131-79386880	0.0339929	0	#NAME?	1
XLOC_013033	FABP1	chr2:88422507-88427650	0.0461285	0	#NAME?	1
XLOC_013038	LOC442028	chr2:95534429-95613087	0.00748331	0	#NAME?	1
XLOC_013043	ADRA2B	chr2:96778622-96781888	0.00957567	0	#NAME?	1
XLOC_013122	C1QL2	chr2:119913818-119916471	0.020634	0	#NAME?	1
XLOC_013148	TUBA3E	chr2:130949317-130956034	0.0326768	0	#NAME?	1
XLOC_013232	RAPGEF4-AS1	chr2:173587917-173917620	0.00317458	0	#NAME?	1
XLOC_013259	CCDC141	chr2:179694483-179914786	0.00359844	0	#NAME?	1
XLOC_013290	LOC100130452	chr2:197504355-197597530	0.0697224	0	#NAME?	1
XLOC_013345	LOC100130451	chr2:214141276-214148929	0.035834	0	#NAME?	1
XLOC_013386	EPHA4	chr2:222282746-222437010	0.00306092	0	#NAME?	1
XLOC_013410	GPR55	chr2:231772042-231789941	0.00858616	0	#NAME?	1

XLOC_013460	C2orf54	chr2:241825464-241835573	0.0344157	0	#NAME?	1
XLOC_013483	RAD21L1	chr20:1206763-1235145	0.023067	0	#NAME?	1
XLOC_013490	TMC2	chr20:2517252-2622430	0.00537157	0	#NAME?	1
XLOC_013502	OXT	chr20:3052265-3053162	0.105812	0	#NAME?	1
XLOC_013568	CST7	chr20:24929865-24940564	0.022544	0	#NAME?	1
XLOC_013590	HCK	chr20:30639990-30689657	0.00914175	0	#NAME?	1
XLOC_013614	ASIP	chr20:32848170-32857148	0.0985991	0	#NAME?	1
XLOC_013641	LOC100287792	chr20:36305311-36311636	0.00838463	0	#NAME?	1
XLOC_013670	HNF4A	chr20:42984440-43061485	0.005333	0	#NAME?	1
XLOC_013796	TCEA2	chr20:62688438-62703700	0.0978322	0	#NAME?	1
XLOC_013832	GFRA4	chr20:3639938-3644046	0.0219804	0	#NAME?	1
XLOC_013847	LINC00658	chr20:5412602-5426394	0.0113356	0	#NAME?	1
XLOC_013848	LINC00654	chr20:5479217-5485242	0.0106957	0	#NAME?	1
XLOC_013885	CD93	chr20:23059992-23066977	0.00243511	0	#NAME?	1
XLOC_013906	NCOR1P1	chr20:26084051-26094677	0.0604525	0	#NAME?	1
XLOC_013920	TSPY26P	chr20:30776948-30778163	0.0239385	0	#NAME?	1
XLOC_014077	KCNQ2	chr20:62037541-62103993	0.0141208	0	#NAME?	1
XLOC_014080	SRMS	chr20:62172162-62178857	0.0394902	0	#NAME?	1
XLOC_014109	CHODL	chr21:19289656-19639687	0.00702081	0	#NAME?	1
XLOC_014165	DSCR6	chr21:38378862-38391958	0.0190272	0	#NAME?	1
XLOC_014176	B3GALT5	chr21:41029253-41034815	0.00867872	0	#NAME?	1
XLOC_014189	ABCG1	chr21:43619798-43717354	0.00670843	0	#NAME?	1
XLOC_014222	PCBP3	chr21:47269874-47362368	0.0611738	0	#NAME?	1
XLOC_014224	COL6A2	chr21:47518032-47552763	0.00816275	0	#NAME?	1
XLOC_014256	ADAMTS5	chr21:28290230-28339439	0.00161603	0	#NAME?	1
XLOC_014359	DNMT3L	chr21:45666221-45682099	0.0193464	0	#NAME?	1
XLOC_014381	COL18A1-AS1	chr21:46825096-46933634	0.0191338	0	#NAME?	1
XLOC_014385	SPATC1L	chr21:47581061-47604373	0.0731886	0	#NAME?	1
XLOC_014431	P2RX6	chr22:21369441-21382302	0.0170944	0	#NAME?	1
XLOC_014468	UPB1	chr22:24891250-24922553	0.00804457	0	#NAME?	1
XLOC_014570	MGAT3	chr22:39853324-39888199	0.00433302	0	#NAME?	1
XLOC_014700	RIMBP3C	chr22:21899957-21978323	0.0147492	0	#NAME?	1
XLOC_014723	GSTTP1	chr22:24340594-24347258	0.0258355	0	#NAME?	1
XLOC_014733	LOC100128531	chr22:25423940-25593415	0.0544152	0	#NAME?	1
XLOC_014833	PDGFB	chr22:39619684-39640957	0.0171729	0	#NAME?	1
XLOC_014868	A4GALT	chr22:43088126-43116876	0.0123098	0	#NAME?	1
XLOC_014900	MLC1	chr22:50497819-50524358	0.00589952	0	#NAME?	1
XLOC_014957	FBLN2	chr3:13590624-13679922	0.0132374	0	#NAME?	1
XLOC_014973	GALNT15	chr3:16216183-16271253	0.00461401	0	#NAME?	1
XLOC_015014	ITGA9	chr3:37493812-37861281	0.00423066	0	#NAME?	1
XLOC_015033	MOBP	chr3:39509069-39567857	0.00468594	0	#NAME?	1
XLOC_015034	MYRIP	chr3:39851302-40353915	0.00626576	0	#NAME?	1
XLOC_015052	FAM198A	chr3:43020758-43099207	0.00552413	0	#NAME?	1
XLOC_015073	CXCR6	chr3:45959390-46037316	0.00837058	0	#NAME?	1
XLOC_015102	CCDC36	chr3:49235860-49295537	0.00544838	0	#NAME?	1
XLOC_015113	GNAT1	chr3:50229042-50235129	0.0073207	0	#NAME?	1
XLOC_015165	C3orf14	chr3:62305395-62319320	0.0914526	0	#NAME?	1
XLOC_015217	OR5K2	chr3:98216524-98217475	0.0448442	0	#NAME?	1
XLOC_015219	ST3GAL6	chr3:98433176-98514689	0.00459169	0	#NAME?	1

XLOC_015257	CD200	chr3:112051915-112081658	0.00949194	0	#NAME?	1
XLOC_015281	NR1I2	chr3:119499330-119537332	0.00664878	0	#NAME?	1
XLOC_015286	FBXO40	chr3:121312169-121349139	0.0026085	0	#NAME?	1
XLOC_015316	KBTBD12	chr3:127641901-127706514	0.0195868	0	#NAME?	1
XLOC_015333	ALG1L2	chr3:129800673-129830276	0.0986976	0	#NAME?	1
XLOC_015334	COL6A4P2	chr3:129931662-129992649	0.00213478	0	#NAME?	1
XLOC_015349	TF	chr3:133464976-133497850	0.0116608	0	#NAME?	1
XLOC_015409	C3orf79	chr3:153202283-153220486	0.0444332	0	#NAME?	1
XLOC_015426	C3orf80	chr3:159943422-159946000	0.0085906	0	#NAME?	1
XLOC_015430	ARL14	chr3:160394947-160396235	0.0145672	0	#NAME?	1
XLOC_015454	KCNMB2	chr3:178254223-178562217	0.0177873	0	#NAME?	1
XLOC_015496	FETUB	chr3:186358148-186370797	0.0113252	0	#NAME?	1
XLOC_015511	TPRG1	chr3:188889762-189041271	0.00848045	0	#NAME?	1
XLOC_015527	LOC100507391	chr3:194429149-194502897	0.00437478	0	#NAME?	1
XLOC_015571	ATP2B2	chr3:10365706-10547268	0.00209094	0	#NAME?	1
XLOC_015640	XIRP1	chr3:39224705-39234085	0.00289727	0	#NAME?	1
XLOC_015670	PRSS50	chr3:46753605-46759373	0.0246586	0	#NAME?	1
XLOC_015693	TMEM89	chr3:48658274-48659189	0.314871	0	#NAME?	1
XLOC_015752	TLR9	chr3:52255095-52260179	0.00891006	0	#NAME?	1
XLOC_015813	FRMD4B	chr3:69219145-69435430	0.00376619	0	#NAME?	1
XLOC_015867	SLC9C1	chr3:111859751-112013074	0.00413328	0	#NAME?	1
XLOC_015868	BTLA	chr3:112182812-112218408	0.00529806	0	#NAME?	1
XLOC_015880	ZNF80	chr3:113953479-113956425	0.00528234	0	#NAME?	1
XLOC_015895	HGD	chr3:120347014-120401418	0.0295774	0	#NAME?	1
XLOC_015914	MUC13	chr3:124624288-124653595	0.00534386	0	#NAME?	1
XLOC_015927	UROC1	chr3:126200007-126236616	0.00598312	0	#NAME?	1
XLOC_015933	DNAJB8	chr3:128181274-128191160	0.0203237	0	#NAME?	1
XLOC_015934	GATA2	chr3:128198264-128212030	0.00709051	0	#NAME?	1
XLOC_015953	SNORA58	chr3:131181044-131221860	0.297528	0	#NAME?	1
XLOC_016016	TMEM14E	chr3:151980404-152183569	0.042196	0	#NAME?	1
XLOC_016020	LOC100507537	chr3:155008020-155011489	0.0297047	0	#NAME?	1
XLOC_016047	SERPINI2	chr3:167159576-167191920	0.00851703	0	#NAME?	1
XLOC_016056	LOC100128164	chr3:169661771-169684522	0.0188046	0	#NAME?	1
XLOC_016083	KLHL6	chr3:183205318-183273499	0.00330779	0	#NAME?	1
XLOC_016112	LEPREL1	chr3:189674516-189840226	0.0067731	0	#NAME?	1
XLOC_016119	ATP13A5	chr3:192992830-193096514	0.0040157	0	#NAME?	1
XLOC_016136	MUC4	chr3:195473637-195538844	0.0163298	0	#NAME?	1
XLOC_016140	ZDHHC19	chr3:195924322-195938300	0.0273167	0	#NAME?	1
XLOC_016204	S100P	chr4:6695565-6698897	0.165845	0	#NAME?	1
XLOC_016275	C4orf19	chr4:37455551-37687999	0.00531953	0	#NAME?	1
XLOC_016290	RHOH	chr4:40198526-40246281	0.0237697	0	#NAME?	1
XLOC_016362	ENAM	chr4:71494460-71512536	0.00247848	0	#NAME?	1
XLOC_016393	CXCL13	chr4:78432906-78532988	0.0170014	0	#NAME?	1
XLOC_016467	EGF	chr4:110834039-110934118	0.00271462	0	#NAME?	1
XLOC_016483	SYNPO2	chr4:119809995-119982402	0.00533957	0	#NAME?	1
XLOC_016490	ADAD1	chr4:123300120-123350947	0.0076251	0	#NAME?	1
XLOC_016516	IL15	chr4:142557748-142655140	0.0136514	0	#NAME?	1
XLOC_016527	POUF2	chr4:147560044-147563623	0.00710913	0	#NAME?	1
XLOC_016533	MAB21L2	chr4:151185810-151936649	0.0148085	0	#NAME?	1

XLOC_016607	TRIML1	chr4:189060597-189068649	0.0139701	0	#NAME?	1
XLOC_016646	OTOP1	chr4:4190529-4228621	0.011501	0	#NAME?	1
XLOC_016670	ZNF518B	chr4:10441503-10459032	0.0026471	0	#NAME?	1
XLOC_016682	PROM1	chr4:15969848-16085623	0.0243128	0	#NAME?	1
XLOC_016777	UGT2A1,UGT2A2	chr4:70454134-70518967	0.00571354	0	#NAME?	1
XLOC_016806	CCDC158	chr4:77234191-77328458	0.0232634	0	#NAME?	1
XLOC_016887	COL25A1	chr4:109731876-110223799	0.00708959	0	#NAME?	1
XLOC_016914	NDNF	chr4:121956781-121993673	0.0169537	0	#NAME?	1
XLOC_016990	GK3P	chr4:166128769-166244308	0.0258296	0	#NAME?	1
XLOC_016991	SPOCK3	chr4:167654535-168155741	0.00644213	0	#NAME?	1
XLOC_017008	SPATA4	chr4:177105724-177116822	0.068953	0	#NAME?	1
XLOC_017017	CLDN24	chr4:184242916-184243579	0.062133	0	#NAME?	1
XLOC_017026	SLED1	chr4:185676748-185747215	0.139716	0	#NAME?	1
XLOC_017052	LRRC14B	chr5:191625-195468	0.0210975	0	#NAME?	1
XLOC_017092	CDH6	chr5:31193761-31329253	0.00212809	0	#NAME?	1
XLOC_017101	TTC23L	chr5:34839268-34899564	0.0109206	0	#NAME?	1
XLOC_017117	GHR	chr5:42423876-42721980	0.00330067	0	#NAME?	1
XLOC_017137	DDX4	chr5:55033844-55112974	0.0137274	0	#NAME?	1
XLOC_017237	FAM81B	chr5:94727047-94786144	0.00955109	0	#NAME?	1
XLOC_017275	LOC728342	chr5:116751207-116915439	0.00485644	0	#NAME?	1
XLOC_017280	FAM170A	chr5:118965253-118971517	0.0170903	0	#NAME?	1
XLOC_017293	C5orf48	chr5:125967413-125971974	0.0515693	0	#NAME?	1
XLOC_017333	SLC25A48	chr5:135170364-135224326	0.0551786	0	#NAME?	1
XLOC_017335	TGFB1	chr5:135364583-135399507	0.0125592	0	#NAME?	1
XLOC_017389	LOC100505658	chr5:140894587-140998622	0.00554226	0	#NAME?	1
XLOC_017397	KCTD16	chr5:143550436-143856944	0.00978605	0	#NAME?	1
XLOC_017464	TENM2	chr5:166711842-167691162	0.00237798	0	#NAME?	1
XLOC_017489	LOC285593	chr5:173006645-173012075	0.0122484	0	#NAME?	1
XLOC_017504	CDHR2	chr5:175969511-176022769	0.00650678	0	#NAME?	1
XLOC_017519	FAM153C	chr5:177433966-177476088	0.0812205	0	#NAME?	1
XLOC_017570	LOC442132	chr5:7299486-7306827	0.0108583	0	#NAME?	1
XLOC_017574	SEMA5A	chr5:9035137-9546233	0.00271523	0	#NAME?	1
XLOC_017605	AGXT2	chr5:34998205-35048240	0.00675781	0	#NAME?	1
XLOC_017667	PLK2	chr5:57749809-57755966	0.012971	0	#NAME?	1
XLOC_017680	LOC100303749	chr5:65222381-65376851	0.0211019	0	#NAME?	1
XLOC_017691	GUSBP9	chr5:70516052-70555122	0.0517867	0	#NAME?	1
XLOC_017748	PCSK1	chr5:95726039-95768985	0.00295108	0	#NAME?	1
XLOC_017844	SLC23A1	chr5:138677518-138719039	0.0206397	0	#NAME?	1
XLOC_017896	CD74	chr5:149781199-149792499	0.020255	0	#NAME?	1
XLOC_017927	EBF1	chr5:158122922-158526788	0.00423725	0	#NAME?	1
XLOC_017986	GMCL1P1	chr5:177611510-177614433	0.00671453	0	#NAME?	1
XLOC_017996	CBY3	chr5:179105558-179107975	0.0470585	0	#NAME?	1
XLOC_018007	FLT4	chr5:180028505-180076624	0.0147179	0	#NAME?	1
XLOC_018045	HULC	chr6:8435855-8785678	0.118171	0	#NAME?	1
XLOC_018057	EDN1	chr6:12290528-12297427	0.0168473	0	#NAME?	1
XLOC_018193	MCCD1	chr6:31496738-31514625	0.0348983	0	#NAME?	1
XLOC_018266	PNPLA1	chr6:36210944-36276372	0.0069455	0	#NAME?	1
XLOC_018296	GUCA1A	chr6:42123143-42147794	0.0103182	0	#NAME?	1
XLOC_018451	WISP3	chr6:112375277-112390887	0.0450933	0	#NAME?	1

XLOC_018471	PLN	chr6:118781934-119031238	0.00914001	0	#NAME?	1
XLOC_018492	LAMA2	chr6:129204285-129837710	0.00288528	0	#NAME?	1
XLOC_018548	SUMO4	chr6:149639435-149732747	0.104428	0	#NAME?	1
XLOC_018592	QKI	chr6:163835674-163999628	0.00610305	0	#NAME?	1
XLOC_018602	SMOC2	chr6:168841830-169068674	0.00613217	0	#NAME?	1
XLOC_018640	LINC00518	chr6:10428017-10435055	0.00498411	0	#NAME?	1
XLOC_018646	NEDD9	chr6:11183530-11382581	0.0352431	0	#NAME?	1
XLOC_018704	HIST1H3I	chr6:27839622-27840099	0.0930951	0	#NAME?	1
XLOC_018806	HLA-DPA1	chr6:33032345-33057473	0.0130073	0	#NAME?	1
XLOC_018887	DLK2	chr6:43395291-43423786	0.0167582	0	#NAME?	1
XLOC_018921	IL17F	chr6:52101483-52109298	0.0360171	0	#NAME?	1
XLOC_018951	LINC00472	chr6:72124148-72130448	0.00801616	0	#NAME?	1
XLOC_018991	SRSF12	chr6:89805677-89827800	0.00973185	0	#NAME?	1
XLOC_018998	BACH2	chr6:90636246-91006627	0.00239834	0	#NAME?	1
XLOC_019039	GSTM2P1	chr6:111367621-111368757	0.0422787	0	#NAME?	1
XLOC_019079	OR2A4	chr6:131958441-132068550	0.023586	0	#NAME?	1
XLOC_019103	NHEG1	chr6:137303295-137314368	0.0218936	0	#NAME?	1
XLOC_019139	RAET1E	chr6:150139893-150244214	0.0102596	0	#NAME?	1
XLOC_020339	TFAMP1	chr7:1654105-1656328	0.00735735	0	#NAME?	1
XLOC_020385	ITGB8	chr7:20370724-20455382	0.00588899	0	#NAME?	1
XLOC_020415	JAZF1-AS1	chr7:27870192-28280996	0.0645662	0	#NAME?	1
XLOC_020537	FKBP6	chr7:72742154-72772641	0.0125892	0	#NAME?	1
XLOC_020586	GRM3	chr7:86273229-86494192	0.00411236	0	#NAME?	1
XLOC_020635	CYP3A43	chr7:99425635-99464173	0.0419907	0	#NAME?	1
XLOC_020754	CPA2	chr7:129906702-129929637	0.0162347	0	#NAME?	1
XLOC_020794	TAS2R4	chr7:141478288-141479188	0.052806	0	#NAME?	1
XLOC_020813	EPHA1-AS1	chr7:143078359-143220540	0.00272789	0	#NAME?	1
XLOC_020831	CNTNAP2	chr7:145813452-148118088	0.00202554	0	#NAME?	1
XLOC_020879	EN2	chr7:155250823-155257526	0.0282234	0	#NAME?	1
XLOC_020927	GRID2IP	chr7:6536408-6591067	0.0136539	0	#NAME?	1
XLOC_021040	NPC1L1	chr7:44552134-44580914	0.00621429	0	#NAME?	1
XLOC_021080	ZNF733P	chr7:62751669-62764434	0.0101882	0	#NAME?	1
XLOC_021102	TRIM50	chr7:72726534-72742085	0.0190175	0	#NAME?	1
XLOC_021123	CCL26	chr7:75398841-75419064	0.0992913	0	#NAME?	1
XLOC_021164	CALCR	chr7:93053798-93204042	0.00584958	0	#NAME?	1
XLOC_021244	RELN	chr7:103112230-103629963	0.00166625	0	#NAME?	1
XLOC_021394	TMEM176B	chr7:150488375-150502208	0.051646	0	#NAME?	1
XLOC_021456	LOC157273	chr8:9182560-9192590	0.0143046	0	#NAME?	1
XLOC_021498	SFTPC	chr8:22019183-22021991	0.0215873	0	#NAME?	1
XLOC_021582	LOC100287846	chr8:48100929-48104439	0.0048457	0	#NAME?	1
XLOC_021591	SOX17	chr8:55370494-55373456	0.0117531	0	#NAME?	1
XLOC_021616	TRIM55	chr8:67039277-67087718	0.00860586	0	#NAME?	1
XLOC_021660	ATP6V0D2	chr8:87111138-87166454	0.013462	0	#NAME?	1
XLOC_021685	SDC2	chr8:97505881-97624037	0.00625219	0	#NAME?	1
XLOC_021714	TRHR	chr8:110099652-110131812	0.0118175	0	#NAME?	1
XLOC_021724	SAMD12-AS1	chr8:119201694-119738306	0.0846397	0	#NAME?	1
XLOC_021819	ANGPT2	chr8:6264112-6501140	0.00628082	0	#NAME?	1
XLOC_021884	SGCZ	chr8:13947372-15095792	0.0265766	0	#NAME?	1
XLOC_021922	PNMA2	chr8:26362195-26371483	0.0361413	0	#NAME?	1

XLOC_021923	ADRA1A	chr8:26605666-26722922	0.0115234	0	#NAME?	1
XLOC_021955	LOC728024	chr8:37594096-37615319	0.0107865	0	#NAME?	1
XLOC_021989	FAM150A	chr8:53446596-53478021	0.0243789	0	#NAME?	1
XLOC_022061	FABP12	chr8:82437280-82443550	0.1203	0	#NAME?	1
XLOC_022094	CDH17	chr8:95139393-95229531	0.00508802	0	#NAME?	1
XLOC_022121	SNX31	chr8:101585111-101661893	0.00656616	0	#NAME?	1
XLOC_022125	NCALD	chr8:102698769-103137135	0.00579855	0	#NAME?	1
XLOC_022143	CSMD3	chr8:113235158-114449242	0.0032147	0	#NAME?	1
XLOC_022179	ASAP1-IT1	chr8:131064350-131455906	0.0145157	0	#NAME?	1
XLOC_022184	HPYR1	chr8:133572744-133573726	0.0409026	0	#NAME?	1
XLOC_022223	CCDC166	chr8:144788863-144790279	0.0998295	0	#NAME?	1
XLOC_022229	EPPK1	chr8:144939911-144947434	0.00628916	0	#NAME?	1
XLOC_022260	DMRT1	chr9:841689-969090	0.0124688	0	#NAME?	1
XLOC_022307	TEK	chr9:27109146-27230172	0.00294932	0	#NAME?	1
XLOC_022387	FAM189A2	chr9:71939487-72007370	0.00914049	0	#NAME?	1
XLOC_022389	MAMDC2	chr9:72658496-72873790	0.00444732	0	#NAME?	1
XLOC_022424	NXNL2	chr9:91150015-91190704	0.0191664	0	#NAME?	1
XLOC_022459	LOC158435	chr9:98828120-98864194	0.0197106	0	#NAME?	1
XLOC_022540	OR1Q1	chr9:125377016-125377961	0.0207839	0	#NAME?	1
XLOC_022564	LMX1B	chr9:129376721-129463311	0.00703528	0	#NAME?	1
XLOC_022625	C9orf171	chr9:135285610-135448675	0.0243089	0	#NAME?	1
XLOC_022642	ADAMTSL2	chr9:136397285-136440641	0.00606571	0	#NAME?	1
XLOC_022667	LOC100128593	chr9:139638468-139644363	0.0182901	0	#NAME?	1
XLOC_022678	LCN12	chr9:139846767-139849949	0.143127	0	#NAME?	1
XLOC_022703	FAM157B	chr9:141106636-141134172	0.0230232	0	#NAME?	1
XLOC_022709	FLJ35024	chr9:2535654-2654485	0.0321557	0	#NAME?	1
XLOC_022737	SCARNA8	chr9:19053134-19102940	2.11506	0	#NAME?	1
XLOC_022827	OR13J1	chr9:35869459-35870398	0.0267725	0	#NAME?	1
XLOC_022845	LOC653501_ZNF6	chr9:39443813-39464526	0.00296468	0	#NAME?	1
XLOC_022870	TMEM252	chr9:71151497-71155783	0.0145339	0	#NAME?	1
XLOC_022879	TRPM3	chr9:73149965-73736514	0.00366311	0	#NAME?	1
XLOC_022892	PRUNE2	chr9:79226291-79521003	0.00144955	0	#NAME?	1
XLOC_022897	RASEF	chr9:85594499-85678043	0.00272522	0	#NAME?	1
XLOC_022935	OMD	chr9:95059639-95432547	0.00541479	0	#NAME?	1
XLOC_022936	ASPN	chr9:95059639-95432547	0.00622282	0	#NAME?	1
XLOC_022947	FAM22F	chr9:97080477-97090926	0.00848326	0	#NAME?	1
XLOC_022974	GABBR2	chr9:101050363-101471479	0.00960367	0	#NAME?	1
XLOC_023047	STOM	chr9:124101265-124132582	0.00821006	0	#NAME?	1
XLOC_023076	NRON	chr9:129089122-129269320	0.0113945	0	#NAME?	1
XLOC_023242	XG	chrX:2670092-2734541	0.0132254	0	#NAME?	1
XLOC_023254	LOC100288814	chrX:9935397-9936042	0.0731117	0	#NAME?	1
XLOC_023262	TLR7	chrX:12885201-12908480	0.00671788	0	#NAME?	1
XLOC_023321	CXorf30	chrX:36246895-36403434	0.00603623	0	#NAME?	1
XLOC_023324	LANCL3	chrX:37430821-37536750	0.00559571	0	#NAME?	1
XLOC_023336	NYX	chrX:41306712-41334905	0.015815	0	#NAME?	1
XLOC_023338	GPR82	chrX:41374188-41782287	0.013379	0	#NAME?	1
XLOC_023425	TRO	chrX:54946995-54957866	0.00667447	0	#NAME?	1
XLOC_023427	PAGE2B	chrX:55101488-55105336	0.0767475	0	#NAME?	1
XLOC_023508	FAM133A	chrX:92929011-92967273	0.00441826	0	#NAME?	1

XLOC_023552	PIH1D3	chrX:106449861-106487473	0.00901642	0	#NAME?	1
XLOC_023577	LUZP4	chrX:114524291-114542121	0.00828643	0	#NAME?	1
XLOC_023602	SH2D1A	chrX:123480131-123507010	0.00780644	0	#NAME?	1
XLOC_023639	CD40LG	chrX:135730335-135742549	0.00890433	0	#NAME?	1
XLOC_023655	SLITRK2	chrX:144899346-144907360	0.00558933	0	#NAME?	1
XLOC_023665	MAGEA8	chrX:149009940-149014609	0.00963806	0	#NAME?	1
XLOC_023702	OPN1LW	chrX:153409724-153424507	0.0271945	0	#NAME?	1
XLOC_023705	TKTL1	chrX:153524026-153558713	0.00673386	0	#NAME?	1
XLOC_023747	VCX3A	chrX:6451658-6453159	0.0204824	0	#NAME?	1
XLOC_023862	SHROOM4	chrX:50334642-50557044	0.00270372	0	#NAME?	1
XLOC_023927	RGAG4	chrX:71130937-71363424	0.00822237	0	#NAME?	1
XLOC_023998	SLC25A53	chrX:103139054-103401708	0.00923501	0	#NAME?	1
XLOC_024012	COL4A6	chrX:107398836-107682704	0.00247046	0	#NAME?	1
XLOC_024038	SNORA69	chrX:118920468-118925606	2.89041	0	#NAME?	1
XLOC_024074	IGSF1	chrX:130407482-130423403	0.00478086	0	#NAME?	1
XLOC_024127	SPANXE	chrX:140785567-140786655	0.102266	0	#NAME?	1
XLOC_024160	MAGEA10,MAGE	chrX:151282520-151307050	0.00589575	0	#NAME?	1
XLOC_024180	L1CAM	chrX:153126970-153141399	0.00396071	0	#NAME?	1
XLOC_024201	MPP1	chrX:154006958-154033802	0.0172938	0	#NAME?	1
XLOC_024206	RAB39B	chrX:154487525-154493852	0.0135847	0	#NAME?	1

7hrs - 1/2hr

gene	t5	t7	log2(fold_change)	q_value
SYTL2	0.118199	0.140421	0.248531	1
HSPA6	0.177302	0.852871	2.26612	0.00820276
CA9	46.6043	73.2848	0.65305	0.0355697
TRIML2	0.251401	0.500857	0.99441	0.342315
B3GNT4	0.38769	0.292792	-0.405028	0.840058
MGAT5B	0.925096	0.999944	0.112244	0.942533
PLXNB3	0.344001	0.359953	0.0653969	1
LDHD	1.37858	1.9527	0.502287	0.517284
C6orf141	0.556654	0.879221	0.659444	0.477591
SOX2-OT	0.44057	0.358004	-0.299392	0.785473
AMT,NICN1	0.818604	0.876441	0.0984897	0.939929
PLA2G4A	0.526043	0.528115	0.00567351	0.997552
NDRG1	125.74	79.9001	-0.654178	0.024868
MIR210HG	4.65413	4.9969	0.102521	0.927665
BHLHE40	14.1303	43.2669	1.61447	0.00153868
ITPR1	0.949392	0.566594	-0.74469	0.0338188
NEAT1	24.3803	50.5205	1.05115	0.00153868
PFKFB4	20.3135	14.9278	-0.444434	0.198908
CAV1	3.86948	3.97629	0.0392841	0.975492
GEM	0.719639	0.624998	-0.203422	0.879418
CALD1	8.50306	22.6287	1.4121	0.00153868
DDIT4	55.2343	71.0746	0.36377	0.289307
SH3D21	2.20856	1.60518	-0.460373	0.452338
ALDOC	70.9923	98.2654	0.46902	0.166442
CCDC80	0.473676	0.415883	-0.187721	0.887695
RORA	0.58215	0.338495	-0.782256	0.0403493
FUT11	1.52388	2.76354	0.858768	0.0719976
AKAP9	0.357232	0.547086	0.614908	0.117359
FOSL2	2.21642	2.98815	0.43102	0.368906
ARRDC3	2.30497	5.09562	1.14451	0.00153868
DHRS1	1.07174	2.64862	1.30528	0.00970147
SEC31B	0.266773	0.381948	0.517766	0.525673
RNF157	0.233405	0.287932	0.302896	1
SPRY1	0.839812	3.00126	1.83743	0.00153868
IL1RAP	1.18933	0.696321	-0.77233	0.0955341
NRN1	14.7303	7.90899	-0.897222	0.00274688
FAM115C	0.786961	0.559666	-0.491726	0.451834
MIR155,MIR155H	1.86017	4.59623	1.30502	0.00659556
PIM1	8.30418	14.8004	0.833728	0.00380811
RIMKLA	1.10819	0.859729	-0.366247	0.456287
KDM3A	8.65549	7.75107	-0.15922	0.783527
CLK1	11.8676	22.9459	0.951215	0.00153868
BCL6	1.7961	4.30899	1.26248	0.00153868
SEMA3A	0.717346	0.404709	-0.825785	0.0515699
LOC283174	0.458893	1.93823	2.07851	0.00153868
FIBCD1	3.21252	4.17484	0.378017	0.484634

ENO2	122.824	69.1289	-0.829236	0.00153868
NAT16	1.22655	1.20445	-0.0262311	0.990421
ADAMTSL4	1.81868	1.37411	-0.404391	0.514736
CDKN2C	6.74836	3.78204	-0.835371	0.0304296
CA12	4.46176	4.80908	0.108151	0.89536
RGS2	2.48287	3.82175	0.622221	0.170153
OTX1	1.14391	1.58002	0.465973	0.499953
F3	1.27839	2.09592	0.713255	0.106011
PLAG1	0.580172	0.32274	-0.846107	0.0568637
GBE1	14.6614	14.1346	-0.0527828	0.957014
STARD9	0.222738	0.427545	0.940727	0.0103919
ARHGAP33	1.06866	0.925664	-0.207242	0.856707
LOC284454,MIR2	5.40596	13.3185	1.30081	0.00153868
MAPK15	2.79814	3.56455	0.34925	0.642337
ZNF669	1.73362	1.57661	-0.136962	0.914269
INSIG2	6.56941	3.94883	-0.734336	0.0117316
SRD5A3	2.75642	2.20954	-0.319044	0.525065
PRDM10	0.595368	1.32877	1.15824	0.00274688
PDE4B	0.628121	0.466747	-0.428401	0.531358
MEGF6	0.557907	0.362608	-0.621615	0.320187
SCD	47.6542	94.7	0.99076	0.00153868
HERC3	1.54226	1.02776	-0.585544	0.255234
EGLN1	9.89369	10.5486	0.0924714	0.900927
ZNF292	0.886776	1.00297	0.177641	0.79507
P4HA1	16.6787	11.9802	-0.477352	0.121719
C8orf58	15.2613	17.996	0.237799	0.643266
DNAJB4	1.63453	3.11304	0.92945	0.0117316
CAV2	1.66666	1.69871	0.0274851	0.983738
RAB20	12.3884	16.0607	0.374548	0.36961
PDK1	12.38	8.70666	-0.507821	0.0999674
BNIP3L	25.5647	16.251	-0.653623	0.0130226
KIAA1244	1.52846	1.14634	-0.41504	0.225511
FAM162A	181.047	219.379	0.277058	0.519005
HSPH1	2.33036	9.15751	1.9744	0.00153868
ZNF627	2.15935	2.29341	0.0868975	0.939068
KDM5B-AS1	13.4854	8.32945	-0.69511	0.178671
C4orf3	52.9174	63.2741	0.257873	0.54836
PLXNA3	3.55375	4.93865	0.474777	0.185361
ZNF572	0.91219	1.13438	0.314501	0.660186
S100A10	128.897	207.873	0.68949	0.0123712
NRBP2	6.72679	8.2769	0.299172	0.514213
APLN	2.92814	3.44445	0.234292	0.729672
GOLGA8A	9.16876	11.1563	0.283058	0.489185
KIAA1715	2.38359	1.71211	-0.477358	0.198233
SPAG4	12.8066	7.99967	-0.678875	0.076039
SMAP1	1.96318	1.63581	-0.263188	0.712857
PNRC1	16.476	17.3718	0.0763825	0.931668
DPYSL2	4.43104	5.51266	0.315104	0.454341
CLK4	2.53274	4.2047	0.731305	0.024868

TPM2	52.9663	84.2483	0.669572	0.0103919
HK2	23.442	22.8984	-0.0338437	0.974073
LRP1	4.01137	2.8124	-0.512292	0.0854415
PGK1	443.307	578.316	0.38355	0.325989
P4HA2	17.1556	16.9088	-0.020899	0.983243
ERO1L	21.8064	18.1865	-0.261884	0.529976
NUDT14	24.0044	35.9492	0.582662	0.0881203
SNX33	14.6189	14.4347	-0.0182881	0.985768
MYLIP	2.78785	3.09235	0.149548	0.858227
HILPDA	15.7109	29.3955	0.903826	0.00153868
PIAS2	6.00436	5.92801	-0.0184628	0.985492
LDHA	596.318	812.827	0.446866	0.234776
ATHL1	16.1546	20.1261	0.317124	0.398652
CCBL1	6.39723	6.78326	0.0845328	0.939529
WSB1	26.1378	16.8759	-0.631172	0.0137404
HSPA1B	27.9919	269.569	3.26758	0.00153868
CDK18	5.1906	2.67825	-0.95461	0.00274688
GSTM1	17.6396	24.7651	0.489494	0.154363
PGM1	26.3548	22.7414	-0.212749	0.674951
ZNRF1	8.74859	7.54989	-0.212594	0.678818
PROSAPIP1	2.66001	3.61655	0.443184	0.28912
TUBGCP5	3.13961	2.93161	-0.0988902	0.91207
ALDOA	2585.32	3344.09	0.371272	0.376279
COG6	2.03136	1.78112	-0.189659	0.800138
RLF	2.48019	2.96448	0.25733	0.579643
TNFRSF14	11.4007	9.17396	-0.31351	0.535571
DPCD	51.5637	63.2276	0.294198	0.489743
CCNG2	4.17922	1.68766	-1.30821	0.00153868
TSC22D2	5.25252	5.91645	0.171721	0.797218
RUNDC1	3.72445	7.51645	1.01302	0.00153868
ZNF395	8.79494	6.21582	-0.500729	0.110718
XIST	3.78778	4.94603	0.38492	0.251505
KCTD11	9.25287	12.0349	0.379248	0.306426
CLK3	11.36	18.1734	0.677872	0.0192959
ELL2	2.87928	2.57139	-0.16316	0.802177
SMAD9	2.51206	1.2841	-0.96812	0.00153868
CRABP2	114.302	123.966	0.117092	0.873654
ID3	210.504	386.295	0.875853	0.00153868
IVNS1ABP	10.355	19.1598	0.887757	0.00153868
PHF1	17.9766	16.9167	-0.0876681	0.916584
DDX17	41.2618	66.181	0.681609	0.00970147
CCNG1	35.951	35.4441	-0.0204867	0.983529
ERP29	145.966	86.1846	-0.760133	0.00274688
SLC7A1	22.4756	13.7288	-0.711158	0.00380811
HAX1	108.026	50.5222	-1.09639	0.00153868
SLC39A14	34.4442	34.8952	0.0187658	0.985692
CLCN7	58.9431	44.5938	-0.402478	0.200395
HNRNPM	116.97	136.542	0.223208	0.633194
XPOT	25.2861	13.3151	-0.925275	0.00153868

EDF1	1358.43	960.856	-0.499547	0.0748376
REEP4	71.2185	52.1531	-0.449498	0.14587
FUS	70.6345	74.4133	0.0751874	0.933369
FAM208B	4.04926	7.40398	0.870642	0.00153868
NDOR1	17.5901	22.4044	0.349013	0.333549
SDSL	52.915	22.2953	-1.24694	0.00153868
NFKBIA	47.8314	34.0241	-0.491399	0.089127
TAP2	30.5557	28.9115	-0.0797979	0.934251
EZH2	21.7624	14.0719	-0.629018	0.0156935
RBCK1	59.312	28.2732	-1.06889	0.00153868
SFPQ	95.694	92.0968	-0.0552783	0.952184
C14orf80	23.2166	21.9954	-0.0779598	0.935067
G0S2	426.871	372.339	-0.197183	0.689784
SLC27A4	74.0319	106.826	0.529049	0.0533774
EIF6	417.412	378.889	-0.139698	0.828851
YARS	101.265	61.1446	-0.727845	0.00478151
SLC35F6	27.9226	19.1187	-0.546447	0.0442243
GFPT1	12.3956	5.32765	-1.21826	0.00153868
CHAC1	43.2353	2.0968	-4.36594	0.00153868
WIP1	15.8588	4.29066	-1.88601	0.00153868
PAPL	20.9338	8.12631	-1.36516	0.00153868
MT1E	2431.94	1543.48	-0.655917	0.0163491
SUN3	44.4948	13.2323	-1.74958	0.00153868
SEC11C	42.2732	48.8679	0.209142	0.674951
MTHFD2	126.134	63.6815	-0.986012	0.00153868
SLC31A1	21.663	12.7147	-0.76874	0.00153868
CTAGE5	7.68407	3.59365	-1.09642	0.00153868
TRIM25	28.3415	11.7137	-1.27471	0.00153868
GTPBP2	55.7364	13.097	-2.08938	0.00153868
KLF2	78.2112	26.8966	-1.53995	0.00153868
MOCOS	22.8254	6.31251	-1.85435	0.00153868
MFSD2A	17.1558	28.6557	0.740127	0.00739414
TMEM51	7.16695	12.9368	0.852046	0.00380811
MAP1LC3B	115.271	53.7057	-1.10189	0.00153868
SLC4A5	7.46629	5.01232	-0.574911	0.0420136
CTH	22.3215	1.39405	-4.00108	0.00153868
IER2	211.688	169.23	-0.322957	0.373268
SESN2	82.7034	10.4133	-2.98952	0.00153868
GFPT2	49.6948	58.0295	0.223693	0.630091
PHLDA2	173.092	304.609	0.815418	0.00153868
PCK2	117.678	35.1022	-1.74521	0.00153868
PRR22	15.0293	11.0823	-0.439515	0.306657
SERPIN8	12.3823	6.84866	-0.854382	0.00153868
DUSP2	39.839	31.3681	-0.344885	0.355674
CARS	50.4273	14.9879	-1.75041	0.00153868
SPPL2A	5.36886	5.1186	-0.068866	0.951036
ALOXE3	11.8561	2.34127	-2.34027	0.00153868
SLC3A2	330.119	149.818	-1.13978	0.00153868
GARS	159.157	66.2753	-1.2639	0.00153868

SLC30A1	6.1094	2.87203	-1.08896	0.00153868
FOSB	7.23078	4.97807	-0.538566	0.112663
SLC1A5	362.555	196.395	-0.88444	0.00153868
NHSL1	1.15104	0.961349	-0.259811	0.697953
AKNA	7.50302	1.63562	-2.19763	0.00153868
IER3	97.7447	65.256	-0.582907	0.0226901
SLC39A3	57.3423	44.9706	-0.350618	0.426107
HIST1H2BH	32.8385	19.2441	-0.770973	0.0907094
SLC16A13	18.0716	5.65907	-1.67509	0.00153868
ITPRIP	11.0571	4.97922	-1.15099	0.00153868
ARRDC4	2.86896	4.3056	0.585689	0.0732377
EGR3	2.89847	2.9877	0.0437428	0.972494
PSAT1	135.74	37.6823	-1.84889	0.00153868
RPLP0P2	3.29478	0.990365	-1.73415	0.00153868
CCRL2	4.45019	1.28435	-1.79283	0.00153868
TSLP	6.48329	0.405985	-3.99723	0.00153868
ULBP1	1.76881	0.507242	-1.80203	0.00153868
JUNB	64.4527	56.1112	-0.199953	0.698259
MARS	69.9251	33.4263	-1.06482	0.00153868
MAP1LC3B2	7.20884	3.67745	-0.971061	0.0130226
TRIB3	196.131	25.7736	-2.92785	0.00153868
TXNIP	55.1876	53.9053	-0.033916	0.975231
SLC1A4	15.1473	4.58358	-1.72452	0.00153868
GOT1	65.0037	19.7278	-1.7203	0.00153868
ASNS	279.956	62.6233	-2.16043	0.00153868
HKDC1	1.90201	0.0937073	-4.34322	0.00153868
SLC7A5	172.618	112.307	-0.620134	0.0238313
INHBE	1.78933	0.185455	-3.27028	0.00153868
LAT2	1.2277	1.059	-0.213248	0.856226
WARS	125.762	44.0197	-1.51447	0.00153868
FOS	9.94934	5.9906	-0.731901	0.0220668
LINC00565	1.00899	0.192616	-2.38911	0.00380811
GDF15	379.777	61.2309	-2.63282	0.00153868
KRTAP2-3	4.61657	1.41063	-1.71048	0.00572929
SLC7A11	4.03336	0.200732	-4.32864	0.00153868
TMEM42	31.8366	5.78436	-2.46046	0.00153868
HIST2H2AC	13.3543	9.07122	-0.557931	0.451834
HIST1H2AD,HIST	4.79837	2.94324	-0.70514	0.378746
SCARNA2	9.25931	3.28275	-1.496	0.0379922
RPPH1	163.768	46.7725	-1.80792	0.00153868
CTGF	47.2122	4.76584	-3.30836	0.00153868
EGR1	55.2164	15.5784	-1.82555	0.00153868
RMRP	433.034	113.434	-1.93263	0.00153868
HIST1H1E	7.53524	1.92609	-1.96798	0.00153868
CXCL2	1.13081	0.277032	-2.02922	0.0215444
RPS17	1.91314	0	#NAME?	0.00153868
HIST1H4D	2.4889	0.544538	-2.1924	0.182216
gene	t5	t7	log2(fold_change)	q_value
LOC284260	0.00673286	0.0540573	3.0052	1

STARD8	0.00320027	0.0296578	3.21215	1
LOC100507173	0.00603575	0.00578892	-0.0602397	1
TMEM178A	0.026225	0.0302934	0.20806	1
MUC5B	0.00392563	0.0194578	2.30936	1
MYLK	0.002449	0.0147225	2.58776	1
ZFR2	0.0062955	0.00415604	-0.599113	1
PP14571	0.00763361	0.0313186	2.03658	1
SEMA4A	0.00712832	0.00469491	-0.602464	1
MMP10	0.00624064	0.00593431	-0.072613	1
LSAMP	0.00104311	0.00362173	1.79579	1
LOC100272216	0.0152663	0.0532395	1.80215	1
SLC22A13	0.0059726	0.0111882	0.905548	1
ZNF660	0.00443253	0	#NAME?	1
PTTG2	0.0272569	0.310888	3.51171	1
FNDC7	0.00376831	0.00620465	0.719431	1
WDR11-AS1	0.0043327	0.0109594	1.33884	1
LOC100128076	0.0118846	0.0315517	1.40862	1
PPP3CC	0.011426	0.103065	3.17317	1
DENND2D	0.00369731	0.0148002	2.00107	1
HEPHL1	0.00170231	0.00767366	2.17242	1
LOC100506343	0.00663006	0.0154151	1.21725	1
TET1	0.00164193	0.00375854	1.19478	1
GSTM5	0.0225012	0.0488971	1.11975	1
SLC4A1	0.00416309	0.0213757	2.36024	1
ANPEP	0.0062242	0.0225784	1.85898	1
SUMO1P3	0.00897685	0.00855228	-0.0698991	1
TRIM58	0.00260503	0.0207098	2.99095	1
POM121L9P	0.0027818	0.036313	3.70639	1
CDHR5	0.0058208	0.0335224	2.52584	1
TSC22D1-AS1	0.0259993	0.196432	2.91748	1
CD200R1	0.00449733	0.019628	2.12577	1
RNF43	0.0059604	0.0155577	1.38414	1
DNAH2	0.000988949	0.0016214	0.713275	1
RIMS1	0.00987098	0.0256247	1.37627	1
CACNA1D	0.00237416	0.015518	2.70846	1
STC1	0.00596632	0.0245964	2.04353	1
LOC100652739	0.0357354	0.157414	2.13913	1
C21orf62	0.00417754	0.00511492	0.292057	1
CLUL1	0.0053771	0.01021	0.925079	1
C9orf152	0.0103856	0.0371448	1.83857	1
C20orf118	0.00688095	0.0666138	3.27514	1
ACR	0.0129466	0.033593	1.37558	1
MATN2	0.00282659	0.0021383	-0.402598	1
PDIA2	0.0294623	0.119653	2.02191	1
ANO9	0.0295895	0.0791859	1.42016	1
NFAM1	0.00274273	0.00255547	-0.102027	1
FNDC5	0.00667391	0.0334674	2.32615	1
PTGES	0.0266061	0.0473938	0.83294	1
PRICKLE2-AS3	0.00373504	0.00937981	1.32843	1

SCN2A	0.00115724	0.00220929	0.932893	1
LOC101101776	0.0478019	0.113921	1.25289	1
KALRN	0.00294084	0.0186173	2.66234	1
NFASC	0.00193242	0.00121368	-0.671025	1
ZNF880	0.00878033	0.0357523	2.02569	1
AFF3	0.00305935	0.00116362	-1.39461	1
PPP2R2C	0.00312605	0	#NAME?	1
APOL4	0.00350522	0.0206071	2.55557	1
UNC5B-AS1	0.287453	0.38205	0.410434	1
LOC100505875	0.0758055	0.0758747	0.00131619	1
LINC00264	0.0204601	0.063563	1.63537	1
LINC00652	0.0121293	0.0191757	0.660778	1
CRYAB	0.0847718	0.540982	2.67392	0.310083
GRIK1-AS2	0.011285	0.109835	3.28285	1
ZAP70	0.0498443	0.0690911	0.471071	1
STARD4-AS1	0.00190701	0.00327295	0.779279	1
KCNJ10	0.00213992	0.00782529	1.87059	1
GPIHBP1	0.00749925	0.012371	0.722148	1
IGFN1	0.00095955	0.000723121	-0.408121	1
PROK1	0.0115284	0	#NAME?	1
CASP1	0.027447	0.0677822	1.30426	1
PTPRN	0.0268726	0.0323592	0.268038	1
C10orf10	0.0175796	0.0840112	2.25668	1
LRRIQ4	0.0143803	0.00635734	-1.17759	1
LOC643723	0.0206518	0.0114051	-0.856595	1
MFAP4	0.00900536	0.0647959	2.84705	1
ABCA12	0.00127222	0.000980522	-0.375722	1
RAPGEF4	0.0192611	0.0110874	-0.796766	1
OPCML	0.0017014	0.00150023	-0.181538	1
PA2G4P4	0.00393348	0.010635	1.43494	1
DCDC5	0.00318105	0.00164842	-0.948422	1
SLC43A3	0.0453218	0.238498	2.3957	1
SLA2	0.0136594	0.0907183	2.7315	1
WDR88	0.00843239	0.0298134	1.82195	1
PSORS1C2	0.0235634	0.0157748	-0.578927	1
C1orf228	0.0408224	0.00859173	-2.24834	1
ADCY5	0.00881844	0.0183827	1.05975	1
TMEM139	0.0107641	0.0448175	2.05783	1
NARR,RAB34	0.0531019	0.0664696	0.323932	1
AHCTF1P1	0.00162076	0.00777349	2.26189	1
BNIP3	0.015615	0.0320503	1.0374	1
PCDH18	0.0101113	0.0179774	0.830215	1
SLC5A4	0.0343225	0.0339808	-0.0144378	1
CD79B	0.018194	0.0301527	0.728825	1
L3MBTL1	0.0773431	0.265049	1.77691	1
GAL3ST1	0.0231776	0	#NAME?	1
TBC1D26	0.0423029	0.0636034	0.588348	1
SLC19A3	0.00300719	0.0209133	2.79793	1
RGS9	0.0240966	0	#NAME?	1

STK33	0.00360566	0.0027708	-0.379959	1
AGSK1,LOC7278	0.00992845	0.0124939	0.331588	1
C1orf114	0.0052184	0.0138401	1.40717	1
HRH4	0.00374962	0.00961744	1.35891	1
RBP5	0.0345412	0.0921872	1.41625	1
FAM228A	0.0112283	0.02116	0.914207	1
ENG	0.0809132	0.119853	0.566823	1
OR2B6	0.0223986	0.037306	0.735996	1
LOC100131655	0.0122974	0.0323742	1.39649	1
LIPH	0.00453229	0.00343129	-0.401489	1
KCNE2	0.0526812	0.157167	1.57694	1
LRRC15	0.0023298	0.00220083	-0.0821555	1
LRTM2	0.00684633	0.0220546	1.68768	1
SH2D6	0.0329651	0	#NAME?	1
CHST11	0.00309838	0.00349906	0.175456	1
TSPAN18	0.0035196	0.00646829	0.877975	1
ENO1-AS1	0.0649512	0.243085	1.90403	1
NRAP	0.00219374	0.00327115	0.576405	1
SLC5A1	0.00350294	0	#NAME?	1
PLB1	0.00371858	0	#NAME?	1
GALR3	0.31638	0.371319	0.230998	1
TMEM119	0.00822248	0.0106177	0.368832	1
SLC13A4	0.00515545	0.0142148	1.46322	1
DLEU7-AS1	0.00635232	0	#NAME?	1
TAS1R1	0.00855673	0.00801205	-0.0948888	1
SEMA3G	0.0046331	0.0199476	2.10617	1
TMIGD2	0.020568	0.0134756	-0.610049	1
HLA-DOB	0.0446665	0.182246	2.02862	1
SPON1	0.0105184	0.0252856	1.2654	1
COL6A4P1	0.0110746	0.00492869	-1.16798	1
IL16	0.00992405	0.0364327	1.87623	1
RNF183	0.028979	0.104499	1.85041	1
SPATA25	0.071054	0.216631	1.60825	1
TRIM69	0.066971	0.150485	1.16801	1
ZNF582-AS1	0.0247019	0.0826948	1.74318	1
ACSM3	0.0820885	0.0984714	0.262525	1
DHH	0.0142286	0.0630199	2.14701	1
C3orf65	0.0237623	0.0111841	-1.08722	1
C9orf139	0.00487821	0.00447687	-0.123863	1
LOC283038	0.0126002	0.0117805	-0.097036	1
HLA-DRB6	0.0288729	0.0177818	-0.699318	1
GUCY2C	0.00270309	0.00414372	0.616319	1
KRTDAP	0.146233	1.02672	2.8117	0.646217
EXOC3L1	0.0358744	0.044034	0.295663	1
FEZF1	0.0525612	0.0873615	0.733001	1
TBX15	0.00690078	0.00632762	-0.125097	1
RPGRIP1	0.00395693	0.00469986	0.248237	1
C9orf173	0.0723641	0.0447123	-0.694603	1
LOC643201	0.0157258	0.0179569	0.191403	1

ENOX1	0.00479237	0	#NAME?	1
ZFHx4	0.00282604	0.000623201	-2.18101	1
RNF222	0.00765092	0.0179454	1.22991	1
ACOT4	0.0112411	0.0520629	2.21148	1
AQP7P1	0.0039262	0.0182875	2.21966	1
IQUB	0.00940583	0.0141663	0.59084	1
MATN1	0.0265733	0.110184	2.05186	1
IRF4	0.0178006	0.029429	0.725315	1
TRAF3IP3	0.00550852	0.00900734	0.709436	1
LAG3	0.0263551	0.0386371	0.551908	1
ANO2	0.00510687	0.00267338	-0.933771	1
OR7D2	0.0191825	0.0168791	-0.184554	1
LOC100134259	0.0163488	0.0676828	2.0496	1
GPR182	0.0118157	0.00872162	-0.438037	1
USP32P2	0.032777	0.0721506	1.13833	1
MSTN	0.00351201	0.00614215	0.806445	1
COL16A1	0.00294425	0.0102978	1.80636	1
SMIM16	0.0083919	0.0213355	1.34619	1
HHLA2	0.00401388	0	#NAME?	1
CLDN5	0.0139309	0.0662723	2.25012	1
VCX3B	0.0127806	0.00940113	-0.443045	1
GNRH2	0.0636379	0.227268	1.83643	1
COL6A6	0.00123679	0.00545325	2.14051	1
LOC100131060	0.0159299	0	#NAME?	1
LOC645638	0.0290963	0	#NAME?	1
PPP1R36	0.00869128	0.0470553	2.43672	1
SSTR2	0.00402684	0.0165519	2.03928	1
LINC00282	0.00583601	0.00260277	-1.16493	1
TSPAN11	0.00365562	0.00238657	-0.615179	1
ANXA2P1	0.00843184	0.00793187	-0.0881868	1
SP7	0.00505036	0.00852023	0.754505	1
RPL23P8	0.0299349	0.100552	1.74805	1
SYCP2	0.0117548	0.0207341	0.818756	1
FBXW12	0.0165484	0.0642064	1.95603	1
PAEP	0.0191763	0	#NAME?	1
C14orf23	0.00878371	0.0242193	1.46325	1
OR2H2	0.0701101	0.204113	1.54167	1
LINC00266-1	0.0227055	0.0370837	0.707743	1
CYP3A5	0.0112375	0.061995	2.46383	1
UBA7	0.0439025	0.171901	1.96921	1
EEF1A2	0.0131857	0.0217844	0.72433	1
SLC22A9	0.0107501	0.0149783	0.478526	1
TM6SF2	0.0130465	0.0122283	-0.0934385	1
CNTD2	0.0140626	0.0753181	2.42113	1
KLK1	0.0274575	0	#NAME?	1
INGX	0.0160415	0.0269663	0.74935	1
CCDC153	0.0710521	0.087338	0.297732	1
SMO	0.0226435	0.0648917	1.51893	1
C4orf26	0.0160388	0.0341433	1.09004	1

FLJ45445	0.0107809	0.0127504	0.242066	1
SMIM5	0.0317324	0.0465969	0.554278	1
CDH4	0.0132503	0.0446892	1.7539	1
MAP7D2	0.00893963	0.0315517	1.81943	1
FUT8-AS1	0.0646293	0.108339	0.74529	1
NLRP14	0.00531807	0.0129864	1.28803	1
TYRO3P	0.0263755	0.0307204	0.22	1
STAT4	0.0113631	0.00734085	-0.630333	1
C21orf49	0.0212315	0.0100749	-1.07543	1
PDGFRB	0.00376237	0.00240636	-0.644792	1
LGI4	0.00973488	0	#NAME?	1
LOC100129055	0.0247478	0.0397964	0.685336	1
FGF7	0.00240461	0.00230624	-0.0602595	1
ACSL6	0.00261304	0.00161997	-0.689758	1
DCDC2B	0.0268931	0.0311515	0.212067	1
CLVS1	0.0100185	0.0166603	0.733755	1
LOC100505624	0.0422389	0.110264	1.38431	1
LOC100507557	0.010424	0.00252699	-2.04442	1
CNN1	0.0502498	0.0610128	0.279995	1
GSTM2	0.098105	0.128242	0.386474	1
YPEL4	0.160945	0.0289027	-2.47729	1
SCUBE3	0.00634795	0.0334647	2.39828	1
TLR1	0.0111558	0.0190842	0.774575	1
SOX6	0.00247366	0	#NAME?	1
SNAI2	0.00602384	0.00571671	-0.0754998	1
HOXA6	0.144458	0.229353	0.666912	1
ALDH1L2	0.00135	0.0074022	2.45499	1
FERMT2	0.00906385	0.0193382	1.09326	1
ANKRD37	3.08593	8.56044	1.47198	0.20701
LOC100272228	0.0411053	0.0653611	0.669107	1
ZNF347	0.00223241	0.0185504	3.05478	1
LRRC2	0.00205602	0	#NAME?	1
MIR31HG	0.178629	0.252459	0.499086	1
LOC100507117	0.00551239	0.038806	2.81553	1
SYCP2L	0.0633629	0.0724175	0.192701	1
ALLC	0.0552587	0.291144	2.39746	1
PCDH19	0.00145898	0.00276842	0.924104	1
CPEB1	0.00438059	0.00677367	0.628812	1
RACGAP1P	0.00377525	0	#NAME?	1
ZBTB20	0.0215733	0.00767776	-1.49049	1
LGR5	0.00446569	0	#NAME?	1
ARGFXP2	0.0103091	0.0248597	1.26989	1
BCL2L15	0.0188906	0.0609402	1.68973	1
ZNF426	0.0149405	0.0192457	0.365314	1
CLDN18	0.00856227	0.0678602	2.9865	1
HCG11	0.00276971	0.00174576	-0.665876	1
GPX7	0.0117534	0	#NAME?	1
PRR23C	0.0144791	0.0440986	1.60676	1
SRL	0.00323341	0.00245163	-0.399314	1

LOC339894	0.00639515	0.0108727	0.765659	1
C14orf178	0.0294299	0.0752889	1.35516	1
CRISPLD2	0.0117764	0.0412318	1.80786	1
NUGGC	0.00329128	0.0161162	2.29179	1
COL10A1	0.00856944	0.0123937	0.532338	1
HSD52	0.0724348	0.101278	0.483568	1
IL37	0.0428586	0	#NAME?	1
ACTG1P4	0.0159545	0.037061	1.21594	1
ZNF295-AS1	0.0186007	0.168954	3.1832	1
ADAMTS16	0.00562304	0	#NAME?	1
GNN	0.0142892	0.0214272	0.584512	1
ANKS4B	0.00587602	0.00352022	-0.739172	1
FAM13A-AS1	0.0861027	0.17642	1.03488	1
LOC100505817	0.0141059	0	#NAME?	1
KPNA7	0.00885971	0.00797755	-0.151314	1
HEIH	0.0123047	0	#NAME?	1
SLC2A14	0.0097358	0.0167154	0.779802	1
RUFY4	0.00772078	0	#NAME?	1
KRT42P	0.00527134	0	#NAME?	1
SLC2A9	0.0213754	0.00778741	-1.45674	1
CCDC81	0.0360309	0.0710699	0.980003	1
PHEX	0.0140095	0.0197076	0.492353	1
GJD4	0.0162253	0.0150473	-0.108738	1
SPTY2D1-AS1	0.0201146	0.0440219	1.12998	1
ANKK1	0.0586147	0.160246	1.45095	1
BSN	0.0169338	0.023685	0.484066	1
ZNF671	0.0135601	0.0173961	0.359398	1
CGB	0.0399664	0.0209875	-0.929253	1
LOC400558	0.0158059	0.0261657	0.727207	1
DPYSL4	0.0150289	0.0249483	0.731206	1
CYBRD1	0.0025288	0.0185518	2.87503	1
PDK4	0.10082	0.020798	-2.27727	1
FAM182B	0.0393498	0.0559337	0.507359	1
RNF165	0.115891	0.196854	0.764356	1
ANP32A-IT1	0.00865796	0.0272579	1.65458	1
MEP1B	0.0108827	0.0146717	0.430989	1
PADI1	0.0209815	0.0125185	-0.745057	1
DOK7	0.0109784	0	#NAME?	1
RBM44	0.0381503	0.0468643	0.296795	1
CCBP2	0.0107206	0.00407333	-1.39611	1
C1orf227	0.0681444	0.0511793	-0.413035	1
LOC100129722	0.160494	0.0881581	-0.864354	1
HAPLN3	0.160618	0.327639	1.02848	1
NLRP3	0.0346078	0.0285327	-0.278482	1
PTGER1	0.0372272	0.0336298	-0.146616	1
PRSS8	0.114238	0.158552	0.472909	1
PDZD9	0.0104022	0.0345164	1.7304	1
C1orf213	0.486506	0.704982	0.535127	0.880513
FAM92A1P2	0.00449338	0.00699665	0.638862	1

RGPD4	0.00138083	0.00107207	-0.365132	1
AIRN	0.00979339	0.0151965	0.633857	1
FRMD6-AS1	0.108817	0.250747	1.20433	1
STARD13-AS	0.0300648	0.0533128	0.826405	1
CSPG4	0.00764365	0.0262807	1.78167	1
ATOH8	0.00530712	0.00248655	-1.09378	1
ST6GALNAC2	0.0520946	0.123556	1.24596	1
ZNF705A	0.00295478	0.0221105	2.9036	1
PTN	0.205584	0.0984608	-1.06211	1
DOCK3	0.0138372	0.037511	1.43876	1
GOLGA8I	0.0258223	0.0451364	0.805674	1
LOC643669	0.210859	0.156533	-0.429813	1
CARD14	0.0628299	0.0811351	0.368876	1
RPS15AP10	0.0517812	0.0672272	0.376617	1
CSMD2	0.00585621	0.0116882	0.997017	1
CTSS	0.00902565	0.0154969	0.779873	1
EPN3	0.01198	0.0339206	1.50153	1
IGSF11	0.00336442	0	#NAME?	1
PCDHB18	0.0093386	0.0325818	1.80279	1
PGAM4	0.0537443	0.0916577	0.770145	1
HPCA	0.0616592	0.173049	1.48879	1
CCDC144C	0.00208837	0	#NAME?	1
GPR87	0.0156141	0.00747215	-1.06325	1
SULF1	0.00484099	0.00342489	-0.499244	1
RASSF2	0.00534231	0.00792994	0.569848	1
PABPC3	0.00518945	0.00458877	-0.177472	1
LOC284080	0.0704798	0.0625119	-0.173078	1
GLUD2	0.00812412	0.00495008	-0.71476	1
ARMCX2	0.048024	0.0585205	0.285188	1
COX8C	0.0438162	0.082581	0.914345	1
ARG1	0.00749063	0	#NAME?	1
LOC100129046	0.0129924	0.0068765	-0.917923	1
LOC391322	1.18771	1.6869	0.50619	0.752072
LOC650368	0.0281601	0.0213612	-0.398662	1
THBS4	0.119383	0.0487127	-1.29323	1
MYO15A	0.00973559	0.00699166	-0.477634	1
SMIM17	0.103354	0.085874	-0.267305	1
MORF4L2-AS1	0.0373594	0.089954	1.26772	1
OR2H1	0.00385427	0	#NAME?	1
C1orf192	0.027896	0.101218	1.85933	1
LOC387895	0.103339	0.317503	1.61939	1
PDE4C	0.0551331	0.0200875	-1.45662	1
ACY3	0.0482011	0.0967758	1.00558	1
LOC643401	0.0124896	0.0905896	2.85862	1
GBP2	0.00410114	0.013702	1.74029	1
FBXO27	0.0445034	0.0305359	-0.543411	1
C6orf25	0.00731593	0.0255863	1.80626	1
ADAM20P1	0.0558565	0.0942322	0.754495	1
RFPL1	0.00924482	0.040323	2.12488	1

SH3RF3-AS1	0.0280842	0.0997466	1.82851	1
KCNT1	0.00867598	0.0119752	0.464946	1
NNAT	0.0229449	0.0903111	1.97673	1
SUSD5	0.0175986	0.0125556	-0.487133	1
RSPH9	0.0874575	0.0568351	-0.621799	1
SLC15A2	0.00566468	0.0289754	2.35476	1
LOC158376	0.0101523	0	#NAME?	1
C3orf43	0.0424389	0.069738	0.716558	1
ERN2	0.00959625	0.0123937	0.369064	1
MIR143,MIR143H	0.00133128	0.00495177	1.89513	1
MTUS2-AS1	0.0663366	0.111864	0.753871	1
TIPARP-AS1	0.126784	0.109857	-0.206748	1
EFHD1	0.00938789	0.0260948	1.47489	1
ADPGK-AS1	0.0424532	0.057104	0.427721	1
PARVG	0.0461663	0.148308	1.68369	1
CASQ1	0.0062762	0.00470964	-0.414273	1
HAPLN2	0.0219203	0	#NAME?	1
LST1	0.0336539	0.0222254	-0.598561	1
BCL2L10	0.0466585	0.0294734	-0.662726	1
SPDEF	0.0162016	0.0195022	0.267495	1
M1AP	0.00511102	0.00457933	-0.158477	1
KCNH6	0.110315	0.129528	0.23164	1
MORN5	0.020128	0	#NAME?	1
UNC5CL	0.243707	0.292232	0.261968	1
MT1DP	2.71438	2.59882	-0.062767	0.981735
CCRL1	0.0139054	0.0304601	1.13127	1
MYO1H	0.00799455	0.00677328	-0.239163	1
HSP90AB4P	0.0205007	0.0485024	1.24239	1
DENND1C	0.163216	0.0980902	-0.734605	1
CCNI2	0.0166196	0.0115835	-0.520815	1
TGFB2	0.00589471	0.00155247	-1.92485	1
FLJ34208	0.0218786	0.0204586	-0.0968108	1
DFNA5	0.00581769	0.0260676	2.16374	1
INPP5D	0.0877786	0.142964	0.703707	1
PRTN3	0.0382194	0	#NAME?	1
ZNF483	0.108085	0.169789	0.651574	1
NLRP12	0.0128716	0.024006	0.8992	1
GSDMA	0.0068376	0	#NAME?	1
SYNPO2L	0.00914577	0.00959312	0.0688951	1
MYOM2	0.0171658	0.0348412	1.02126	1
PNLIPRP1	0.0124287	0.0148047	0.252376	1
HGFAC	0.0185422	0.0121557	-0.609182	1
ATP8A1	0.136608	0.0957448	-0.512779	1
TMEM212	0.0328461	0.0540557	0.718726	1
C14orf182	0.022149	0.0356551	0.686868	1
FLJ44511	0.0480676	0.0520267	0.114188	1
LOC100507066	0.0218713	0.0230207	0.0738944	1
C4A,C4B	0.00718608	0.00220959	-1.70142	1
CHRNA3	0.0773728	0.307186	1.98921	1

KRT18P55	0.00760023	0.00562719	-0.433629	1
NCF4	0.018104	0.00951524	-0.927994	1
KRT15	0.0194569	0.0426425	1.13201	1
ALS2CR8	0.0837204	0.0591647	-0.500843	1
CELA1	0.0257773	0.0163957	-0.652777	1
ACPT	0.0273331	0.0322308	0.237792	1
ZNF454	0.0180967	0.0261731	0.532357	1
TEX30	0.0934711	0.429697	2.20073	0.103353
C3orf35	0.116661	0.200574	0.781816	1
FAM71A	0.00604098	0.00562873	-0.101972	1
PTPN13	0.0018325	0.00203539	0.15149	1
ZNF835	0.00873821	0	#NAME?	1
LOC399753	0.103191	0.138895	0.428674	1
GUSBP4	0.261404	0.186024	-0.490794	1
GFAP	0.015274	0.0125645	-0.281731	1
DNAH11	0.00107927	0.00576276	2.41671	1
ZNF724P	0.134283	0.167576	0.319547	1
SNORA36A	2.68905	5.57836	1.05275	0.919777
PBOV1	0.00659972	0.0228408	1.79114	1
EFEMP2	1.09215	0.43575	-1.32559	0.865543
IQGAP2	0.00245018	0.00143603	-0.770804	1
PNCK	0.0514154	0.0366946	-0.486634	1
RNASE3	0.0302119	0	#NAME?	1
WDR63	0.0518327	0.0269419	-0.944009	1
PKD1L2	0.0379765	0.00180794	-4.39269	1
UTS2D	0.0119963	0	#NAME?	1
NTF4	0.721739	0.862814	0.257572	0.902428
SIGLEC9	0.0562772	0.0161285	-1.80293	1
LOC100133445	0.806124	0.476958	-0.757139	0.884031
TMPRSS5	0.189853	0.359299	0.9203	1
SPDYE2L	0.0146747	0.042584	1.53698	1
LEP	0.0100785	0.0133801	0.408805	1
PLEKHG6	0.0121525	0.00560322	-1.11693	1
ASTL	0.060245	0.0411708	-0.549219	1
TPPP3	0.0775744	0.0440979	-0.814869	1
ANKRD20A12P	0.302865	0.441088	0.542393	0.600595
SEC24B-AS1	0.26257	0.381806	0.540141	0.967343
LOC100289511	0.056091	0.0691997	0.302995	1
AMN	0.0659866	0.0204366	-1.69102	1
GAS2	0.0287562	0.0679943	1.24154	1
MYADML2	0.0320813	0.0667227	1.05645	1
DCST2	0.0564836	0.0661746	0.228445	1
PDCL3P4	0.0839678	0.0481312	-0.802864	1
RRN3P2	0.0439114	0.0829806	0.918179	1
PLG	0.0126314	0.0102067	-0.307505	1
EFCAB3	0.207779	0.332253	0.677231	1
MAK	0.0533983	0.0582465	0.125377	1
RGPD8	0.0474976	0.0398247	-0.25419	1
ENTPD8	0.120816	0.0753912	-0.680346	1

SYN3	0.00754512	0	#NAME?	1
SNORD55	278.732	314.796	0.175537	0.947962
SNORD83B	59.6111	22.1757	-1.4266	0.860592
AGAP7	0.183782	0.276828	0.590995	1
CTAGE10P	0.0074091	0.010529	0.507	1
MYO7A	0.065327	0.0569647	-0.19761	1
TAS2R5	0.202041	0.25968	0.362084	1
ATP2C2	0.0321344	0.0448103	0.479715	1
LINC00665	0.0275644	0.0163451	-0.753953	1
FP588	0.0663484	0.0297364	-1.15783	1
LOC256880	0.0693717	0.057555	-0.269405	1
LINC00202-1	0.0684791	0.174916	1.35293	1
LOC100270804	0.175192	0.237336	0.437994	1
GPR146	2.10705	1.26968	-0.730761	0.800869
PCDHB11	0.190424	0.157388	-0.274884	1
PARK2	0.0211583	0.0427685	1.01532	1
MYO15B	0.213708	0.0651236	-1.71439	1
ATP6AP1L	0.611707	0.401017	-0.609179	0.737273
B3GALT4	0.149778	0.316968	1.08151	1
CDH3	0.0880574	0.0493989	-0.833966	1
FLJ12825	0.078967	0.116188	0.557138	1
GPR137C	0.0574176	0.0619651	0.109962	1
LOC100288123	0.0706539	0.115659	0.711032	1
PLCB2	0.0836172	0.182912	1.12928	1
MST1	0.750837	0.451862	-0.732617	0.425947
FAM182A	0.0159473	0.0168916	0.0829862	1
HOXA13	0.384503	0.633897	0.721252	0.396333
BEST4	0.0294495	0.0583679	0.986934	1
C1S	0.178005	0.275021	0.627622	1
JAM2	0.029916	0.0258077	-0.213117	1
SCN4B	0.0449976	0.0294067	-0.613706	1
AATK	0.225734	0.482564	1.0961	0.8041
LINC00612	0.0161698	0.00501081	-1.69018	1
SYT3	0.0289407	0.0470119	0.699925	1
TULP1	0.0316029	0.0817008	1.3703	1
TMEM132B	0.00770812	0.00872148	0.178193	1
CTSO	0.15006	0.240393	0.679852	1
LRRTM2	0.00709609	0.00661956	-0.100289	1
MGAM	0.0148845	0.00789418	-0.914948	1
CLDN20	0.0201759	0.0180284	-0.162362	1
ZNF154	0.0174179	0.0634074	1.86408	1
ADTRP	0.197011	0.318756	0.69418	1
FUT2	0.0878463	0.300545	1.77453	1
PPEF2	0.0220568	0.0332938	0.594031	1
GCSAM	0.122874	0.266925	1.11926	1
CLEC4A	0.334964	0.625067	0.900005	0.30248
CCDC102B	0.0304811	0.0198636	-0.617788	1
LINC00085	0.28448	0.679579	1.25631	0.0888478
FAM3B	0.0996001	0.0628581	-0.664049	1

EPO	0.0623487	0.221615	1.82963	1
FLJ14107	0.0199269	0.0501545	1.33166	1
LOC401074	0.0910374	0.10279	0.175169	1
DMGDH	0.0082906	0.00315802	-1.39246	1
TCF7L1	0.0347397	0.0865714	1.3173	1
TNXB	0.0136053	0.00848973	-0.680384	1
PDE6G	0.0310058	0.0211728	-0.550326	1
USHBP1	0.0102346	0	#NAME?	1
CALML6	0.0864827	0.104479	0.272729	1
FOXN4	0.0238513	0.00891943	-1.41905	1
MYOZ3	0.012856	0.0217559	0.75897	1
ABLIM3	0.0121464	0.00512013	-1.24628	1
ARL9	0.0625501	0.25728	2.04025	1
LOC728228	0.0571716	0.178177	1.63994	1
HOXD1	0.0475859	0.0294778	-0.690907	1
RFTN1	0.00916531	0.0236828	1.36958	1
EIF1B-AS1	0.0465465	0.0426053	-0.127638	1
TP53TG5	0.403051	0.416564	0.0475743	0.99611
CLEC2B	0.113257	0.049277	-1.20062	1
ZNF813	0.00350736	0.00635219	0.856868	1
ACVR1C	0.00473293	0.00208831	-1.1804	1
CD84	0.00195724	0.0012542	-0.642047	1
TMC8	0.0833076	0.0623873	-0.417195	1
CALN1	0.00186151	0.00194174	0.0608728	1
ANXA8	0.0147659	0	#NAME?	1
PACRG	0.013482	0.0140614	0.0606974	1
PLAC4	0.0464309	0.136058	1.55106	1
LOC100506776	0.00477235	0.00245802	-0.957206	1
LOC100131434	0.0223629	0.0288257	0.366251	1
CHN1	0.0334806	0.0176328	-0.925059	1
RPS6KA6	0.00178674	0.000906589	-0.97881	1
CA5B	0.379388	0.379285	-0.000391423	0.999234
TBX19	0.26686	0.292309	0.131414	1
LOC730668	0.0182978	0.0216768	0.244485	1
PSD2	0.00467732	0	#NAME?	1
LINC00242	0.268359	0.455744	0.764061	0.458976
MEIOB	0.00914512	0.044149	2.27131	1
FGD4	0.0427313	0.0170806	-1.32294	1
AQP7P3	0.363266	0.444585	0.291434	0.952184
LOC145474	0.00891536	0.0159154	0.836056	1
LOC100507156	0.00433269	0.00711023	0.714634	1
DDX60	0.121704	0.0813795	-0.580638	1
LOC100130691	0.0572269	0.0284505	-1.00824	1
KIAA0319	0.0393067	0.0265263	-0.567353	1
NBPF11,NBPF24	0.00914573	0.00804571	-0.184879	1
AKNAD1	0.0276001	0.0123156	-1.16419	1
MPZL2	0.00615826	0.013834	1.16762	1
SRPX2	0.00845448	0.02587	1.61349	1
LOC154761	0.909141	0.488525	-0.896073	0.140686

RBPM2	0.0284776	0.0489893	0.782639	1
RNU11	24.3935	24.0997	-0.0174851	0.996035
COL23A1	0.00918764	0.0121091	0.398324	1
PPP1R14D	0.034862	0	#NAME?	1
LOC100240735	0.0260467	0	#NAME?	1
EBLN2	0.0587916	0.0231929	-1.34193	1
LIPG	0.0351801	0.0505176	0.522027	1
ADAMTS2	0.0402393	0.0751083	0.900368	1
MAML2	0.00828415	0.00379881	-1.12481	1
LOC100505933	0.0430785	0.0525519	0.286776	1
GPR39	0.0293367	0	#NAME?	1
DDIT3	53.4514	18.3134	-1.54533	0.0308509
CACNG7	0.425139	0.18224	-1.22209	0.248957
ECT2L	0.0483758	0.0741593	0.616343	1
DRD4	0.91546	1.88381	1.04108	0.301221
SLC4A9	0.0469693	0.0178986	-1.39187	1
HEXA-AS1	0.0283662	0.08328	1.5538	1
PRDM11	0.162829	0.175982	0.112066	1
LOC100128573	0.0581834	0.0937047	0.687515	1
SHC4	0.010886	0	#NAME?	1
CYP4F35P	0.1714	0.154229	-0.15229	1
TSPEAR	0.0156297	0	#NAME?	1
IRF7	0.018165	0.0241228	0.409235	1
HAVCR2	0.0264418	0.0464169	0.81183	1
MYBPC2	0.0390171	0.0427279	0.131071	1
CYP2E1	1.07601	1.87655	0.802386	0.149166
ANGPTL1	0.00780901	0.00248709	-1.65068	1
ANKRD18A	0.240601	0.306453	0.349022	1
TOB1-AS1	0.444469	0.403132	-0.140829	0.955281
LOC100129269	0.0520429	0.116478	1.16229	1
KIAA1024	0.106527	0.265718	1.31868	1
BMP3	0.0391645	0.0302296	-0.373584	1
LUST	0.0477956	0.126201	1.40077	1
LRRC19	0.00682369	0.00973992	0.513358	1
MMP3	0.0118956	0.00977254	-0.283626	1
SYT11	0.00447445	0.0332477	2.89347	1
PROCA1	0.474704	0.242678	-0.967983	0.424569
PRG4	0.0246195	0.0557357	1.1788	1
CCDC121	0.1213	0.172661	0.509367	1
LOC153684	0.0572381	0.313332	2.45265	1
TEX12	0.0913846	0.136656	0.580521	1
ZMIZ1-AS1	0.0241167	0	#NAME?	1
DIRAS3	0.119848	0.134477	0.166152	1
LDHC	0.0421125	0.122398	1.53926	1
LOC286367	0.30139	0.445491	0.563765	0.486248
CXorf48	0.0137496	0.0813419	2.56461	1
MST1L	0.220291	0.104491	-1.07603	1
LEMD1	0.0197699	0.0420772	1.08973	1
LOC100287072	0.0121116	0	#NAME?	1

PRH1,PRR4	1.32413	1.63681	0.305837	0.957728
SNX29P1	0.0914122	0.101229	0.147158	1
KLHL7-AS1	0.032959	0.0145055	-1.18407	1
CDC20B	0.0112905	0.00347748	-1.69899	1
PCP2	0.36642	0.14232	-1.36436	1
THSD4	0.0725972	0.0657308	-0.143345	1
CRSP8P	0.0260737	0.00805381	-1.69485	1
EFCAB13	0.00939941	0.0167717	0.835386	1
DEPDC4	0.149146	0.174472	0.226271	1
SCNN1A	0.575549	0.32176	-0.838955	0.920464
TBC1D30	0.0435723	0.0249787	-0.802716	1
DNM3	0.00871264	0.0129845	0.575608	1
FDP2L2A	0.0165731	0.0330292	0.994899	1
LOC100505978	0.0406042	0.09901	1.28594	1
FAM209B	0.580011	1.03147	0.830552	0.467453
LOC100652770	0.041605	0.112291	1.43241	1
SOAT2	0.0390808	0.0333685	-0.227973	1
SARDH	0.253628	0.111973	-1.17956	1
KCNJ4	0.0301035	0.15586	2.37225	1
GPR155	0.17893	0.311104	0.798	1
NRIP2	0.0810718	0.119173	0.55578	1
TMEM191A	0.529449	0.705794	0.414755	0.747742
EXD3	1.47278	1.38477	-0.0889039	0.958285
CGB7	0.375283	0.217122	-0.789472	0.733299
ZNF785	1.04312	1.71963	0.721184	0.138646
C1orf229	0.30373	0.260436	-0.221861	1
KIAA1984	0.113098	0.1345	0.250036	1
SLFNL1-AS1	0.0863773	0.194762	1.17299	1
C6orf58	0.0473509	0.0239411	-0.983903	1
MUC20	0.0228931	0.0320187	0.484006	1
TSNAXIP1	0.0708687	0.0605279	-0.227548	1
KIF17	0.325396	0.194121	-0.745238	1
VSTM2L	0.0528705	0.0321758	-0.716488	1
CCBE1	0.00643162	0.00479151	-0.424702	1
NAPA-AS1	2.15542	2.18108	0.017076	0.98338
TRIM74	0.40156	0.694201	0.789737	0.475587
MRGPRX3	0.0615575	0.156671	1.34773	1
TINCR	0.133028	0.229276	0.785353	1
SPNS2	0.475589	0.483086	0.022565	0.980184
IFIT1	0.0662164	0.172809	1.38392	1
PIANP	0.0644991	0.10167	0.656537	1
FBXO43	0.0707274	0.0390971	-0.855207	1
LOC646471	0.147091	0.168281	0.194164	1
IL21R-AS1	0.0226331	0.0410654	0.85949	1
HLA-J	0.838806	0.945357	0.172522	0.957822
CXCR2	0.0139493	0	#NAME?	1
LOC400043	0.0830359	0.171696	1.04805	1
GRAP2	0.0311981	0.00850749	-1.87465	1
TSSK3	0.842336	1.13582	0.431266	0.687264

DQX1	0.0175823	0.0255198	0.537492	1
HSD17B13	0.0276487	0.067199	1.28123	1
PLXDC1	0.0529468	0.0318595	-0.73282	1
C1orf106	0.106985	0.115742	0.113513	1
LOC100132707	0.402749	0.697309	0.791916	0.878806
KIAA1456	0.0064664	0.0134736	1.0591	1
NECAB2	0.186059	0.0621919	-1.58096	1
FLJ30679	0.088259	0.106418	0.269921	1
SRPK3	0.0366909	0.0194093	-0.918671	1
TRPC1	0.091395	0.0236047	-1.95304	1
SLC9B1	0.159673	0.145939	-0.129753	1
SLC46A2	0.0132974	0.0187501	0.495756	1
ZNF252P-AS1	0.0810738	0.183383	1.17755	1
LINC00669	0.203545	0.114078	-0.835323	1
CDSN	0.0663402	0.0571235	-0.215799	1
DEFB134	0.281739	0.229347	-0.296825	1
TP53TG1	3.24065	4.00343	0.304953	0.774988
CCDC110	0.0556556	0.0349137	-0.672732	1
CSDC2	0.0314343	0.00723972	-2.11833	1
B3GNT7	0.0853039	0.123475	0.533537	1
CTAGE7P	0.0384902	0.0822059	1.09475	1
ZFP3	0.0205132	0.0497288	1.27753	1
LOC728989	0.0295404	0.0109457	-1.43232	1
SEMA7A	0.109607	0.244439	1.15714	1
SOX2	0.0408361	0.00639611	-2.67458	1
DUOX2	0.00485415	0.010257	1.07932	1
KEL	0.0120813	0.0108669	-0.152828	1
C1orf141	0.011628	0	#NAME?	1
TTC30B	0.120717	0.112963	-0.095775	1
TMC4	0.492405	0.601808	0.289458	0.845932
LOC100130855	0.235345	0.353541	0.587098	1
HSPA1A	1.45208	14.1236	3.28191	0.00153868
VMO1	0.62842	0.387707	-0.696763	0.696915
GOLGA8T	0.118562	0.108731	-0.124877	1
PLL	0.766404	0.175737	-2.12469	0.0621442
KIAA1875	0.080678	0.122389	0.601232	1
ARHGAP4	0.192494	0.355214	0.883874	1
FAM84A	0.00301751	0	#NAME?	1
TMEM30C	0.0514987	0.0462065	-0.156441	1
C2orf15	0.649128	0.574766	-0.17553	0.934279
CTF1	0.427104	0.345625	-0.30538	0.897319
GUCY1A2	0.00060839	0	#NAME?	1
IGIP	0.502098	0.687436	0.453256	0.541081
MAP3K9	0.26478	0.501776	0.922251	0.0916618
FAM35BP	0.00455992	0.0130452	1.51644	1
ALDOB	0.0531836	0.106873	1.00685	1
ANKRD20A1,ANK	0.00672393	0.00208933	-1.68626	1
PRMT8	0.499653	0.835345	0.741445	0.285746
RLN2	0.0429027	0.0139479	-1.62102	1

GP1BA	0.13734	0.172964	0.332713	1
C12orf69	0.017578	0.0336675	0.937587	1
RAB30	0.174111	0.226809	0.381476	1
SMAD7	1.8615	1.03464	-0.847341	0.0799092
MYLPF	0.105127	0.168516	0.680755	1
NBEAL1	0.0316516	0.0379898	0.263332	1
ZNF221	0.0682133	0.0952301	0.481365	1
GLUD1P7	0.00278611	0.00267609	-0.0581229	1
ZNF614	0.130654	0.125331	-0.0600065	1
OCLM	0.106949	0.108159	0.0162333	1
EYS	0.00707384	0.0131451	0.893961	1
ZNF555	0.297138	0.393022	0.403474	0.527665
SSPN	0.00250686	0.00677911	1.43521	1
ZNF829	0.00457442	0.00788862	0.786185	1
ZNF469	0.00680272	0	#NAME?	1
OGN	0.00352572	0	#NAME?	1
DSG3	0.0124439	0.024165	0.957482	1
GPR98	0.00075758	0.00131662	0.797364	1
RNF133	0.00778077	0.0618945	2.99183	1
MYOZ2	0.00367563	0	#NAME?	1
HOXB13	0.574452	0.488129	-0.234925	0.866022
SPEG	0.00923858	0.0123234	0.415658	1
BEAN1	0.110752	0.0932252	-0.248543	1
H19,MIR675	1.34845	1.58147	0.229963	0.882208
LRRC71	0.301097	0.143811	-1.06605	1
LOC100506035	0.00537398	0	#NAME?	1
ALS2CR11	0.00609832	0.0069004	0.178268	1
ZNF582	0.0151753	0.0292579	0.947098	1
TEC	0.55473	0.494569	-0.165614	0.89536
PLGLB2	0.00349773	0.00273057	-0.357221	1
DCDC2	0.522925	0.378093	-0.467863	0.520223
PXT1	0.00889619	0.0148244	0.736714	1
MCF2	0.00271331	0.00450004	0.729882	1
FANK1	0.517224	0.267519	-0.951149	0.343481
FLJ36777	0.0252936	0.00476613	-2.40788	1
LOC100506368	0.156654	0.0278677	-2.49092	1
LOC100133612	0.0670486	0.16277	1.27956	1
MFAP5	0.00385276	0.00636366	0.723963	1
EDA2R	0.0033816	0	#NAME?	1
ZNF467	1.10558	0.832341	-0.409557	0.735312
RPL23AP64	0.163941	0.290201	0.823873	1
ITGAX	0.892515	0.427765	-1.06106	0.0253664
RAB37	0.0785239	0.0636483	-0.303011	1
LOC285540	0.010725	0.00944303	-0.183659	1
KCNU1	0.00421998	0.00369096	-0.19324	1
RFPL1-AS1	0.00554436	0.00369523	-0.585359	1
TNFRSF9	0.00189744	0.0594378	4.96926	1
ALS2CR12	0.0130126	0.00960295	-0.438363	1
METTL7A	0.00390608	0.00718787	0.879843	1

SNORA65	4.19533	8.93023	1.08991	0.904905
LOC150197	0.166508	0.357318	1.10161	1
PMFBP1	0.0424238	0.037461	-0.179485	1
SLC6A12	0.068739	0.0155043	-2.14846	1
C1orf180	0.00399555	0	#NAME?	1
FAM186A	0.00222414	0	#NAME?	1
IL18RAP	0.00397592	0	#NAME?	1
MYLK3	0.00282338	0.0189234	2.74467	1
COL12A1	0.00203952	0	#NAME?	1
SNAP25	0.00557396	0	#NAME?	1
ARHGAP11B	0.651604	1.25578	0.946517	0.207194
EP400NL	0.250649	0.490964	0.969951	0.344644
ZFPM2	0.0024273	0.00185645	-0.38681	1
DGAT2L6	0.00756462	0.0116493	0.62291	1
FAM129A	0.00161659	0	#NAME?	1
LINC00244	0.0287734	0	#NAME?	1
PCDHB6	0.00503861	0.0039002	-0.369479	1
LOC285740	0.00587723	0.0291215	2.30888	1
HBA2	0.202608	0.353191	0.801759	1
C5orf56	0.620542	0.966066	0.638594	0.66108
HAVCR1P1	0.0325214	0.0393381	0.274538	1
SLN	0.0474555	0.0638233	0.427507	1
RASA4CP	0.106093	0.074778	-0.504641	1
HECW2	0.00160717	0	#NAME?	1
LCN15	0.335848	0.214364	-0.647746	1
GLUD1P3	0.211831	0.405242	0.935872	0.236701
C12orf70	0.0726764	0.089967	0.30791	1
CYP4F3	0.00428449	0.00325715	-0.395511	1
QPRT	0.0711393	0.00847919	-3.06865	1
C3orf49	0.00863406	0.021719	1.33084	1
LINC00595	0.0391064	0	#NAME?	1
ALB	0.00535172	0	#NAME?	1
DDC	0.0117243	0.00613714	-0.93386	1
CDKL2	0.0889846	0.0413173	-1.10681	1
RP1L1	0.0104268	0.0285118	1.45126	1
RPS26P11	0.977525	1.29825	0.409359	0.810299
TMEM150C	0.00650781	0.0462089	2.82793	1
ASCL3	0.0321238	0	#NAME?	1
GREB1L	0.00191932	0.00659191	1.7801	1
MLLT4-AS1	0.0775742	0.0500305	-0.63277	1
HLA-G	0.0363019	0.0688548	0.923513	1
DHDH	4.1617	3.30353	-0.333165	0.70174
NEU4	0.0265306	0.0123233	-1.10627	1
GAL3ST3	0.00551474	0.00517281	-0.0923446	1
HBBP1	0.0640469	0.115139	0.846175	1
EMR1	0.00486943	0	#NAME?	1
FAM46C	0.177562	0.119685	-0.569082	1
LOC100129726	0.0142622	0.0276743	0.95635	1
GNRH1	0.426577	0.729429	0.773961	0.267178

CD247	0.0216014	0.00671888	-1.68483	1
FER1L5	0.0184009	0.0123084	-0.58014	1
HIGD2B	0.0310538	0.0139362	-1.15593	1
SEC14L3	0.00600012	0.00564299	-0.0885316	1
INTU	0.548076	0.247645	-1.1461	0.048028
DHX58	0.0258614	0.0334478	0.371114	1
NAP1L6	0.00623701	0.0103148	0.725786	1
RAB3A	1.05195	2.37394	1.17421	0.0529824
DNAJC27	0.495688	0.643732	0.377026	0.606134
SMIM6	0.0205898	0.0194115	-0.0850192	1
HRASLS2	0.0226601	0.0983209	2.11734	1
TPI1P3	0.0164286	0.0756295	2.20274	1
CORIN	0.0840114	0.0658182	-0.352099	1
TNFRSF10C	0.946828	0.501574	-0.91664	0.331994
LOC653160	0.55694	0.520213	-0.0984186	0.968712
NOMO3	0.0151008	0.053474	1.82422	1
XDH	0.00204238	0.00498468	1.28725	1
APOBEC3D	0.0918348	0.0780064	-0.23545	1
NEFH	0.0076993	0.0254301	1.72374	1
ANKDD1B	0.00879397	0	#NAME?	1
ANXA9	0.21633	0.203373	-0.0891047	1
BCAS1	0.00337404	0.00314826	-0.0999242	1
BMS1P5	0.112417	0.12653	0.170618	1
LOC399715	0.157404	0.0771505	-1.02873	1
AIPL1	0.00778248	0.0146866	0.916195	1
LOC100506023	0.0186417	0.029458	0.660128	1
GIPR	0.329874	0.19499	-0.758518	1
CECR5-AS1	0.291168	0.431952	0.569019	1
SGSM1	0.588192	0.253525	-1.21416	0.0117316
LOC100506123	0.662477	0.749304	0.17768	0.881798
LINC00672	0.0602035	0.0512747	-0.231599	1
LOC100289230	0.29042	0.387099	0.414563	0.792083
SGK2	0.112677	0.158035	0.488054	1
PLA2G4E	0.00286876	0.00256972	-0.158815	1
WWC2-AS2	0.562475	0.477521	-0.236226	0.902666
ZNF737	0.443354	0.343137	-0.369675	0.558921
SH3GL1P2	0.0285882	0.0578841	1.01775	1
DCHS1	0.0292219	0.0585245	1.00199	1
TCEAL5	0.0103156	0	#NAME?	1
RHD	0.0517941	0.0630414	0.283514	1
RASGRP4	0.00660313	0.0172792	1.38781	1
COL17A1	0.00870891	0.0187643	1.10743	1
AOC4	0.00787522	0.0190801	1.27668	1
ZNF254	0.531893	0.594038	0.159419	0.893674
ALX4	0.00306369	0.00285527	-0.101641	1
CNGB1	0.00256193	0	#NAME?	1
HR	0.757837	0.295164	-1.36037	0.0163491
CD5	0.00744941	0.00393251	-0.921676	1
LRRD1	0.0232365	0.04207	0.856402	1

KIF5A	0.00339282	0	#NAME?	1
ZNF543	0.395736	0.427988	0.113034	0.944934
HIST1H2BE	0.0690518	0.11612	0.749862	1
FOLR3	0.031306	0.0167061	-0.906064	1
TPT1-AS1	3.49497	3.15315	-0.148487	0.89836
ANKRD12	0.368729	0.444452	0.269467	0.705198
PDC	0.00862771	0.0133522	0.630029	1
LINC00167	0.0526812	0.0244449	-1.10775	1
GP6	0.0873321	0.138386	0.664118	1
ZNF709	0.560788	0.7957	0.504769	0.346798
VAMP5	0.0298121	0	#NAME?	1
SNORD21	30.0037	13.4683	-1.15557	0.878182
TMPRSS9	0.0143622	0.017079	0.249945	1
LOC100130238	0.0110208	0.00420157	-1.39122	1
LOC100506801	0.053758	0.0344644	-0.641372	1
ZBTB32	0.0560948	0.0996171	0.828525	1
BRWD3	0.335501	0.366716	0.128347	1
CCDC146	0.286719	0.35541	0.309844	1
RGPD3	0.026748	0.0375852	0.490731	1
KIAA1751	0.00494693	0.00257853	-0.939985	1
PGM5P2	0.0664884	0.0617582	-0.106471	1
RAB26	6.22803	6.28939	0.0141442	0.992563
YBX2	0.0125859	0.0397915	1.66066	1
MIR4763,MIRLET	0.406334	1.38744	1.77168	0.162206
SORCS2	0.00293416	0	#NAME?	1
CCDC116	0.0739043	0.0664532	-0.15332	1
CYBB	0.0243137	0.0356098	0.550507	1
DRP2	0.0160257	0.0202786	0.339573	1
ZNF699	0.0496454	0.0360534	-0.461524	1
TNNI2	0.0255148	0.0234766	-0.120116	1
FUT7	0.00875677	0.00810214	-0.112096	1
OPN4	0.00829343	0	#NAME?	1
COL13A1	1.83664	0.801607	-1.1961	0.0103919
LRRN2	0.00570108	0.00521783	-0.127786	1
PDCD1	0.0832782	0.125072	0.586748	1
IGFALS	0.0954704	0.0973055	0.0274671	1
JPH3	0.0115835	0.0689926	2.57437	1
GUSBP3	0.0460576	0.0842078	0.870515	1
NAALADL1	0.00922939	0.0121606	0.397906	1
RHPN1-AS1	1.5396	2.88367	0.905356	0.0609817
ABI3BP	0.010378	0.0286166	1.46332	1
COL2A1	0.00925039	0.0103852	0.166943	1
HCG27	0.240884	0.214949	-0.164345	1
NFATC4	0.203023	0.0742342	-1.45148	1
ARHGAP5-AS1	1.64637	2.19252	0.413303	0.6084
CD7	0.0443767	0.0310468	-0.515361	1
PAQR6	2.07782	1.12049	-0.890939	0.703945
ALPL	0.0107938	0.0816603	2.91943	1
C19orf35	0.0154042	0.0204256	0.407056	1

CLCA2	0.00852277	0	#NAME?	1
CENPE	0.276115	0.70395	1.3502	0.00153868
LOC257358	0.0237491	0.0154311	-0.622027	1
LOC100505648	0.201111	0.300246	0.578153	1
FAM151B	0.172073	0.0949761	-0.857386	1
NEURL1B	0.207172	0.225635	0.123159	1
P2RX2	0.0119779	0.053887	2.16957	1
VAMP8	0.78274	0.838309	0.0989487	0.969535
TLE6	4.49205	1.8424	-1.28579	0.00274688
SLC34A3	0.0122267	0.0203521	0.735137	1
OBSCN	0.437079	0.333068	-0.392075	0.497625
ANKRD26	0.16826	0.212255	0.335103	1
GSG1L	0.00828645	0.0191539	1.20881	1
ZNF841	0.99277	1.02436	0.0451989	0.975492
ZKSCAN4	0.82637	1.9353	1.2277	0.00380811
LOC643355	0.0134384	0.00664813	-1.01534	1
XAF1	0.0084847	0	#NAME?	1
TAF7L	0.0371276	0.128266	1.78857	1
ANKRD6	0.0321295	0.0481177	0.582671	1
CEP290	0.366761	0.573882	0.645912	0.573873
C6orf57	9.82547	4.32419	-1.18409	0.00970147
ASB14	0.160478	0.266529	0.731917	1
ESPNL	0.0411622	0.0582384	0.500649	1
ZNF843	0.0183066	0	#NAME?	1
ZNF540	0.137744	0.360533	1.38815	1
COLEC10	0.0259	0.0107119	-1.27374	1
HSF2BP	0.862876	0.687602	-0.327579	0.76721
KCTD7	0.787078	1.16014	0.559715	0.260643
CD302.LY75.LY75	0.227208	0.426623	0.908945	0.0987604
EPS8L2	0.792814	0.529743	-0.581689	0.503126
AXIN2	0.443204	0.683573	0.625123	0.306657
NRG4	0.298437	0.691887	1.21311	0.0500215
ZNF93	0.0441293	0.00886599	-2.31538	1
WNT10A	0.767625	1.18123	0.62182	0.426107
GTF2IRD2	0.117468	0.0841073	-0.481966	1
HSP90B2P	0.0121755	0.0500199	2.03852	1
C21orf15	0.243994	0.195036	-0.323105	1
ST3GAL5	1.17791	0.676127	-0.800861	0.127913
TPTE2P6	0.0124231	0.00363527	-1.77289	1
PSORS1C1	0.490302	0.330196	-0.570351	0.817355
USP44	0.00763043	0.0138353	0.85852	1
TXNDC16	0.310162	0.221079	-0.488465	1
SEMA3C	0.182574	0.310444	0.765852	1
TBX6	0.687207	0.317808	-1.11259	0.24507
KATNAL2	0.0780826	0.0432905	-0.850951	1
PLA2G4C	0.0957969	0.0865045	-0.147202	1
FRMD5	1.20962	0.669893	-0.852556	0.14863
DGCR5	0.068108	0.18825	1.46676	1
ABHD12B	0.0283585	0.065141	1.19978	1

IL13	0.0701352	0.0303638	-1.20779	1
PBX4	0.939518	0.791211	-0.247857	0.874107
PDK3	4.07442	3.40196	-0.260227	0.79416
LILRA6	0.0338842	0.0855593	1.33631	1
HLA-DMB	0.0275057	0	#NAME?	1
CCDC15	0.0451241	0.0315882	-0.514513	1
CDH23	0.0202317	0	#NAME?	1
GSTT2	0.702315	1.62753	1.2125	0.0927091
NEURL3	0.0353345	0.019711	-0.842074	1
DHRS3	0.193431	0.0499317	-1.95379	1
ZNF586	0.28115	0.432607	0.621715	0.465679
WHAMMP1	0.551827	0.617879	0.163108	0.924931
UNC13A	0.00807469	0.0063827	-0.339241	1
TIAM1	0.00554993	0	#NAME?	1
CXorf31	0.15373	0.0232188	-2.72703	1
IFI27	15.8699	20.6235	0.377993	0.489185
TAS2R19	0.0457047	0	#NAME?	1
DPH3P1	0.719618	0.552082	-0.382349	0.961132
KCNJ13	0.0115657	0.0285798	1.30514	1
ITGA7	2.32754	1.81719	-0.357094	0.640496
FIGF_PIR	0.367878	0.461318	0.326536	0.824372
LMAN1	1.36447	1.60536	0.234553	0.725441
NTNG2	1.14913	0.713449	-0.687662	0.319357
MGC12916	1.80213	5.21802	1.5338	0.00153868
EBF4	0.649084	0.581759	-0.157983	0.934043
CCDC148	0.0611488	0.0251051	-1.28434	1
FAM212A	5.2892	6.9873	0.401687	0.522524
PARD3B	0.223577	0.153312	-0.5443	1
DNAJB5	2.48519	2.59136	0.0603542	0.963969
LY6G5B	2.66015	4.97029	0.901824	0.105743
DIO1	0.0240704	0.0188662	-0.351454	1
C4orf47	0.865037	0.430373	-1.00718	0.35997
TRIM31	0.029197	0.00494599	-2.56149	1
PRRT2	0.0965428	0.0617083	-0.645703	1
LTC4S	0.972688	0.384788	-1.33791	0.541095
APOBR	0.0316928	0.0133682	-1.24535	1
OSBPL1A	1.70806	1.86751	0.128755	0.895397
USH1G	0.418699	0.42647	0.0265298	0.991167
GPR162	2.39163	2.37281	-0.0113962	0.994734
ZNF844	0.678605	0.591376	-0.198495	0.864177
NPTXR	0.291844	0.367459	0.332389	1
GOLGA6L5	0.160991	0.224911	0.48238	1
DNM1	6.1609	6.4601	0.0684157	0.988974
FAM160A1	0.916905	0.475783	-0.946468	0.0351856
A1BG	0.256551	0.117802	-1.12288	1
HCG25	0.165811	0.0671879	-1.30326	1
SLC25A27	0.822081	0.710396	-0.210656	0.852179
C1orf145	0.387822	0.273433	-0.504208	0.933684
IGF1	0.00289225	0.00391932	0.438412	1

FLJ43663	3.40612	3.1825	-0.0979686	0.930048
PROM2	0.155625	0.239081	0.619426	1
ANKAR	0.1153	0.0793725	-0.538684	1
NOS1AP	0.114222	0.196153	0.78014	1
CNIH2	0.349274	0.537612	0.622208	0.684216
PIK3IP1	1.96706	1.04937	-0.906521	0.0500215
ATRX	0.898378	1.51937	0.758083	0.0123712
MFSD4	0.0485333	0.0412289	-0.23532	1
HRK	1.41321	1.11818	-0.337815	0.756518
NME9	0.106118	0.119049	0.165891	1
OVGP1	0.683379	1.24408	0.864322	0.100423
MMRN2	0.19557	0.335661	0.779323	1
ZNF449	0.319934	0.31397	-0.0271488	1
RCN3	2.6972	3.44142	0.351543	0.628664
CHFR	0.204675	0.132491	-0.627444	1
PCDHB12	0.0884567	0.0511027	-0.791572	1
OTUD1	2.3618	1.83477	-0.364284	0.539297
ZNF792	0.731283	1.07473	0.555468	0.285026
LYPD5	0.249158	0.162728	-0.614601	1
PPP1R3E	0.919505	1.17786	0.357238	0.593715
ENPP5	0.230486	0.113719	-1.01921	1
AGAP9	0.0676717	0.0709357	0.0679604	1
ALDH6A1	1.63867	1.41317	-0.213582	0.852179
HBG1	0.161716	0.13035	-0.31107	1
A2M-AS1	0.0461482	0.0474533	0.0402318	1
FLJ30403	0.540152	0.708107	0.390601	0.742598
PITPNM3	0.131844	0.20374	0.6279	1
SCAPER	1.40559	0.796838	-0.818816	0.034328
PILRA	0.366428	0.238152	-0.621643	1
LOC728730	0.335758	0.138635	-1.27613	1
TSSK4	0.0556103	0.0803529	0.530997	1
BVES	0.00383583	0.00150121	-1.35341	1
KLF5	1.03046	1.03149	0.00143974	0.999234
BCOR	0.981039	1.54857	0.658556	0.0775493
ING2	5.34861	7.63693	0.513829	0.239607
LRRC37A	0.0421789	0.0503513	0.255507	1
LY6K	0.148659	0.182643	0.297025	1
ZNF397	1.72624	1.14484	-0.592491	0.544748
ZNF354B	0.951748	1.22645	0.365839	0.629991
SLC15A3	1.66071	1.99542	0.264893	0.968079
C12orf76	1.16826	1.35591	0.214907	0.836427
C7orf10	0.224755	0.305573	0.443164	1
RNF122	2.05128	2.55275	0.315522	0.691843
KLHL28	0.485443	0.475095	-0.031085	0.983243
OSBPL7	2.21499	2.56641	0.212451	0.788779
INE2	1.2555	1.19942	-0.0659251	0.975776
TMEM220	0.0560882	0.0344095	-0.704892	1
ARHGEF6	0.230964	0.174988	-0.400411	1
ATAD5	0.400357	0.458405	0.195335	0.841494

ZNF441	0.394385	0.351205	-0.16729	0.891142
SOX7	0.0902968	0.215431	1.25448	1
LOC554206	0.588757	0.703213	0.256289	0.891828
KRTCAP3	0.740357	0.741018	0.00128749	0.999234
PBX1	0.108671	0.0365041	-1.57384	1
BTK	0.0107685	0.00412825	-1.38322	1
SKIDA1	0.145178	0.266495	0.876284	1
IL12A	0.987062	1.6943	0.779478	0.172569
NBPF7	0.0818333	0.138631	0.760492	1
ANXA2R	1.96708	1.69241	-0.216976	0.87521
SLC26A4	0.0379793	0.0611196	0.686422	1
LOC643770	0.185521	0.0581261	-1.67432	1
LAIR2	1.51116	1.15181	-0.391752	0.790372
SELPLG	0.148159	0.131131	-0.176144	1
GTF2A1L,STON1,	0.00740115	0.00822836	0.152855	1
SHD	0.297052	0.201666	-0.558749	1
MACROD2	0.0131873	0.00626777	-1.07313	1
HEATR3	1.46821	3.42472	1.22192	0.00153868
TMEM45A	9.65862	4.6329	-1.0599	0.00153868
LOC202781	5.516	5.53221	0.00423341	0.997552
CHRM4	0.118588	0.132977	0.165213	1
ZNF385C	0.018605	0.0172015	-0.113161	1
VPS37D	12.6831	11.3161	-0.164532	0.836427
LOC642236	0.143697	0.0510525	-1.49298	1
NBPF10	0.147665	0.184745	0.32321	1
ZDBF2	0.364078	0.41468	0.187752	0.832407
MAP3K14-AS1	0.665795	0.21968	-1.59967	0.781034
FLJ20021	1.82832	1.87684	0.0377878	0.989715
FMN1	0.0775221	0.0743768	-0.0597552	1
COMMD10	4.31125	6.92002	0.682671	0.057213
TMEM91	3.769	4.30571	0.192069	0.935829
LAMB2P1	0.460144	0.262819	-0.808013	0.433273
ANG,RNASE4	15.6569	6.11339	-1.35675	0.00153868
KCNC1	0.0106635	0	#NAME?	1
C5orf4	0.0166676	0.0304246	0.868192	1
FAM66C	0.0298943	0.0133218	-1.16608	1
LOC100506124	0.30263	0.331923	0.133295	1
CEP112	1.05473	0.55033	-0.938507	0.137794
ACP5	0.112685	0.140735	0.320683	1
PRPH	0.0756771	0.0585064	-0.371261	1
JAKMIP3	0.047875	0.0531283	0.15021	1
LOC100132215	0.122228	0.183853	0.588972	1
SNORA12	25.1219	1.61747	-3.95714	0.766151
LOC653653	0.0468202	0.0465942	-0.00697974	1
UBAP1L	0.692427	2.07739	1.58504	0.0232503
RAET1G	0.341497	0.583641	0.773208	0.890882
PLCH2	0.0545522	0.0233441	-1.22458	1
PARD6B	1.25077	1.45785	0.221026	0.764456
GRIK1	0.0198903	0.0110012	-0.854404	1

LOC284412	0.271981	0.457258	0.749502	0.380319
IFIT2	0.0668136	0.110396	0.724472	1
AMPD3	2.55151	1.7453	-0.547874	0.177937
LOC100499489	1.35198	1.65524	0.291969	0.757347
RNF112	0.153363	0.197584	0.365519	1
CYP27A1	0.029516	0.155306	2.39554	1
FHIT	10.1182	9.7592	-0.0521179	0.96513
OPN1SW	0.0793969	0.241129	1.60265	1
BTN3A1	0.85615	0.842053	-0.0239532	0.990104
SESN1	2.44342	2.85478	0.224475	0.758662
SEMA3E	0.0131933	0.0215719	0.709351	1
REM2	0.271482	0.380831	0.488297	0.776769
FEM1C	2.06762	2.32269	0.167832	0.802621
CACNB4	0.383118	0.296391	-0.370287	0.591586
LOC100130093	0.455252	0.852624	0.905243	0.939543
LOC100130301	0.0520433	0	#NAME?	1
ID1	35.7846	78.1851	1.12756	0.00153868
CELF5	0.296931	0.394982	0.411656	0.785865
UPK3B	1.1766	2.50023	1.08744	0.0580068
LOC100506713	1.2646	1.40199	0.148801	0.951036
C1orf74	1.21224	1.71667	0.501932	0.467453
KRTAP4-6	0.116738	0.096888	-0.268889	1
ZNF484	0.636065	0.570444	-0.157088	0.890882
STAR4	0.853748	1.16656	0.450373	0.50443
SPDYA	0.0996413	0.207848	1.06071	1
LOC649395	0.0126373	0.0256303	1.02016	1
LOC100190986	0.553039	0.912496	0.722438	0.218807
C1orf54	0.30131	0.339701	0.173016	1
TMEM191C	0.258795	0.469569	0.859529	0.646217
MRPL23-AS1	0.054167	0	#NAME?	1
LOX	0.719371	0.886043	0.300639	0.677269
CELSR3	0.613571	0.825784	0.428534	0.776558
SAP30	26.4035	28.8494	0.127812	0.863087
ZMYM2	1.371	1.23664	-0.148807	0.825475
TAS2R20	0.19141	0.26077	0.446113	1
RNF144A-AS1	0.0102101	0.0258924	1.34253	1
KIAA1328	0.228501	0.228173	-0.0020761	1
LURAP1	0.0275615	0	#NAME?	1
SWT1	0.625308	0.458814	-0.446658	0.845567
NHS	0.0170519	0.00916173	-0.89624	1
ZNF575	0.627853	0.581351	-0.111018	0.96676
SLC7A9	0.139748	0.262612	0.910103	1
SERTAD4-AS1	2.24395	1.07301	-1.06438	0.180016
ZFP14	0.154059	0.260419	0.757351	1
PPEF1	0.110813	0.0173086	-2.67856	1
HMHA1	15.8838	15.8882	0.000403917	0.99971
LOC100506305	0.0167434	0.0142959	-0.227991	1
SLX4IP	0.17279	0.162936	-0.0847126	1
PARP10	2.83298	3.22058	0.185	0.824472

CDKN2B-AS1	0.120576	0.111679	-0.110592	1
C2orf48	1.15839	0.489124	-1.24385	0.227385
GGN	0.480278	0.622539	0.374295	0.837065
ZNF250	0.925955	1.40159	0.598052	0.112989
ZBTB3	0.879923	0.636389	-0.467468	0.54298
LOC286437	0.162442	0.282356	0.797593	1
C17orf107	0.124738	0.360385	1.53063	1
C16orf45	0.0734326	0.0662801	-0.147845	1
ZNF654	1.07108	1.04807	-0.0313309	0.993173
ASIC1	4.60866	6.50798	0.497862	0.162455
GARNL3	1.06622	1.43122	0.424737	0.456287
FLJ35390	0.71854	0.595937	-0.269909	0.889908
LOC143666	0.674619	1.52391	1.17563	0.0447624
ZFP37	1.53677	1.75197	0.18908	0.819675
CD82	1.42884	1.89429	0.406807	0.629512
LOC389247	0.389419	0.415617	0.0939298	0.981441
CRYM-AS1	0.127283	0.1751	0.460139	1
DNALI1	0.00916091	0.048149	2.39394	1
RPL32P3	1.39301	2.29141	0.71803	0.141805
EFCAB5	0.014366	0.0318079	1.14672	1
THAP3	16.4288	22.2901	0.440173	0.717284
SEMA3D	2.31768	2.32943	0.00729344	0.994734
RAB17	0.0359866	0.0123965	-1.53753	1
BMS1P1	0.0588083	0.0783722	0.414322	1
GPR4	0.0252296	0.0199888	-0.335922	1
MFI2-AS1	1.92667	3.13492	0.702321	0.920543
MPP2	3.36264	2.47953	-0.439531	0.290007
LINC00514	0.188237	0.22865	0.280587	1
C9orf96	0.0806236	0.131524	0.706049	1
WFDC3	0.0992161	0.0491771	-1.01259	1
SYT2	0.0135919	0.0141098	0.0539492	1
ZNF57	2.1958	3.35889	0.613237	0.143385
WDR27	1.00559	1.01096	0.00767088	0.996454
DCBLD1	0.416435	0.569372	0.451279	0.930948
LOC100130417	0.178561	0.105402	-0.760515	1
HFE	1.26645	0.659486	-0.941377	0.108871
ANKDD1A	0.809941	0.842055	0.0560979	0.975211
LRIG2	1.19692	0.95668	-0.323217	0.620504
TNFAIP8	1.9169	1.78223	-0.105092	0.934331
DNAJC9-AS1	0.0364511	0.0242934	-0.585398	1
GPR179	0.00394023	0.00591834	0.586913	1
LOC642366	0.0408588	0.0480221	0.23305	1
UBL4B	0.104931	0.0713067	-0.557339	1
FLJ26850	1.08366	1.38796	0.357056	0.73946
AZGP1	0.0942199	0.0165372	-2.51032	1
NMNAT3	1.71348	1.00711	-0.766704	0.167611
DDAH2	25.1118	23.6957	-0.0837399	0.929645
ZNF487P	0.227968	0.214267	-0.089417	1
MATN1-AS1	0.710695	0.497283	-0.515165	0.697434

G2E3	0.689197	0.90617	0.394865	0.479652
BMF	0.239922	0.290025	0.273613	1
BACE1-AS	0.527905	0.524039	-0.0106039	0.981963
ZNF217	1.28554	1.62387	0.337068	0.503126
ZNF2	0.828199	1.55671	0.910447	0.0243026
ZNF823	1.23151	1.96511	0.674184	0.12218
TXK	0.0655035	0.0655714	0.00149564	1
MPI	33.8672	20.6863	-0.711212	0.00820276
TAGLN	33.6626	108.998	1.69509	0.00153868
PLEKHA2	7.09721	4.91012	-0.531494	0.0685533
RASD2	0.757392	0.587056	-0.367543	0.713126
ZNF14	1.48653	1.72055	0.210924	0.790054
C1QTNF6	0.768744	0.164338	-2.22583	0.00897284
FBXL8,HSF4	6.31901	6.31166	-0.00167904	0.999234
LOC100506385	0.0202483	0.0332725	0.716531	1
ABCA2	15.2971	17.9855	0.23357	0.607733
SLC52A3	0.0161786	0.0113039	-0.517266	1
C1orf220	0.0648192	0.0728802	0.169107	1
SNED1	0.308491	0.240874	-0.356954	1
RINL	0.727492	0.307551	-1.24211	0.0410754
NAGS	4.48462	4.75918	0.0857289	0.945857
COLEC11	0.308027	0.537405	0.802952	0.327652
ZNF615	0.500576	0.594594	0.248316	0.796442
GAD1	6.17928	6.11547	-0.0149738	0.994068
CRYL1	19.941	12.1361	-0.716439	0.0143403
MLLT3	2.33677	1.31426	-0.830263	0.0192959
FGF2	0.00481314	0.00364455	-0.401238	1
KRBA2	0.0274155	0.00520954	-2.39576	1
STXBP6	0.658878	0.283273	-1.21782	0.104245
CRLF1	0.69055	0.860338	0.317157	0.836708
CSRP2	20.1423	25.1528	0.320491	0.470928
PTX4	0.0528178	0.0323371	-0.707831	1
GPX2	0.0547241	0.0504915	-0.116134	1
IFFO2	4.52667	7.1448	0.658445	0.0143403
CHRM3	0.0876537	0.0645852	-0.440612	1
BAI1	0.387984	0.145443	-1.41554	0.068345
ADAM20	0.0103966	0.0178892	0.782984	1
LOC100132356	0.142093	0.152885	0.105608	1
C1orf21	1.779	1.04674	-0.765161	0.00659556
ZNF160	3.26664	2.54195	-0.361868	0.389383
HLTF	0.0361209	0.042318	0.228439	1
TTLL7	0.107244	0.0832925	-0.364636	1
SLC9A4	0.0528215	0.0684527	0.373981	1
GOLGA6L4	0.119218	0.100168	-0.251183	1
SMYD3	15.1127	10.412	-0.537524	0.094542
RALGAPA2	0.761754	0.807641	0.0843888	0.939929
LCA5L	0.15273	0.167426	0.132537	1
GPI	206.293	237.155	0.201137	0.707165
MAST4	0.468213	0.166756	-1.48943	0.0943483

TAS2R14	0.178847	0.0963906	-0.89176	1
KAAG1	0.473551	0.369858	-0.356548	0.928548
HERC2P7	2.27031	3.9429	0.796367	0.0460785
NYAP1	1.56547	1.07008	-0.548878	0.352552
SHC3	0.0342704	0.0190474	-0.847367	1
MBD5	0.10278	0.0271103	-1.92265	1
DFNB31	8.62337	10.1416	0.233963	0.65387
VWA7	0.0638464	0.077023	0.270686	1
PMS2CL	1.60897	1.66146	0.0463161	0.977897
AP1S3	0.0143072	0.00252436	-2.50276	1
AANAT	0.159371	0.29011	0.864212	1
ZNF786	2.3784	3.77985	0.668338	0.073625
C19orf59	0.047292	0.0145422	-1.70135	1
MAP1LC3C	0.457709	0.960356	1.06914	0.186315
LOC283683	0.122539	0.0363504	-1.75319	1
ZNF133	4.07635	5.0466	0.308032	0.564651
ZNF32-AS2	0.433432	0.379958	-0.189966	0.980228
MGC2889	0.0227971	0.0183478	-0.313244	1
CCDC92	1.64411	2.10555	0.356889	0.668321
DTWD2	0.406464	0.482363	0.246992	0.808777
ZNF566	1.37767	1.80887	0.392865	0.376498
SLC39A10	2.23015	4.22134	0.920557	0.00153868
PRDM5	0.902825	0.572055	-0.658294	0.255443
IDUA	2.96706	2.92288	-0.0216425	0.991637
PGAP1	0.60141	0.724758	0.26915	0.642611
CTAGE6P	0.027408	0.0466739	0.768019	1
FSCN3	0.0161216	0.0280105	0.796974	1
SH3RF2	0.288821	0.0768918	-1.90928	1
CYP27B1	1.49116	2.66101	0.835545	0.077173
AQP6	0.0118664	0.0205182	0.790023	1
IQCC	0.979716	1.64475	0.747437	0.1252
ZC3H6	0.120496	0.00885273	-3.76671	1
ZNF526	2.70211	4.30367	0.671479	0.0487873
RRAS	21.8848	13.9997	-0.644533	0.0748376
MEX3B	0.65614	0.811738	0.307011	0.759124
SENP7	0.738031	0.512132	-0.527165	0.296862
C1orf162	0.579314	0.427982	-0.436796	0.800869
MCTP2	0.509865	0.435937	-0.225994	0.861724
CACNB3	14.7412	13.8073	-0.0944219	0.905839
AMZ2P1	1.37841	0.862877	-0.675784	0.131273
RASAL2-AS1	0.040165	0.0942237	1.23015	1
CCDC41	1.32396	2.52221	0.929824	0.00572929
SYDE2	1.10864	0.628616	-0.818543	0.042563
GPX3	0.015832	0.0364205	1.20191	1
NFAT5	2.26114	3.02737	0.421018	0.191267
PACSIN1	0.0282408	0.00579974	-2.28372	1
GPR160	12.6741	9.61852	-0.398003	0.28861
CD4	0.0452145	0.0783254	0.792694	1
FAM47E,FAM47E	5.09456	6.95854	0.449829	0.194881

ZBTB25	1.95746	1.52634	-0.358904	0.641758
CCR6	0.0540309	0.0673408	0.317697	1
SYNPO	0.406942	0.36585	-0.153571	0.9183
GXYLT2	0.409594	0.322258	-0.345979	0.850951
ERMP1	2.7537	2.2133	-0.315171	0.500006
MORC3	2.36059	2.48704	0.0752779	0.939948
DYSF	0.105798	0.0558336	-0.922107	1
C2orf74	0.0658735	0.0299372	-1.13776	1
LOC100134368	0.172597	0.149546	-0.206819	1
ZCWPW2	0.0594172	0.0142019	-2.06479	1
MAPK8IP2	0.761564	0.672544	-0.179338	0.914505
MYH7B	0.0320701	0.0146827	-1.12711	1
DLG4	13.6231	9.41189	-0.533504	0.749866
LRRC39	0.344679	0.406457	0.237852	0.951272
STRC	0.0866611	0.0753627	-0.201536	1
POU5F1P4	0.0306407	0	#NAME?	1
DNAH1	0.120718	0.159223	0.399401	1
BAIAP3	1.39	1.28284	-0.115743	0.982866
PJA2	2.26579	1.31168	-0.788596	0.0150346
TEKT3	0.140036	0.127449	-0.135883	1
TGIF1	26.5555	47.3515	0.834399	0.00153868
STAG3L3	0.281208	0.421552	0.584076	0.628907
ESRRB	0.126707	0.114278	-0.148952	1
LOC730101	0.993245	1.79119	0.850695	0.020985
COX6B2	0.418324	0.363294	-0.203483	0.93285
RSBN1	1.64686	1.98228	0.267442	0.619482
ALPK3	0.0162846	0.0255612	0.650445	1
MUC6	0.0392728	0.0793102	1.01397	1
CNTD1	0.153145	0.192152	0.327343	1
C6orf223	0.0523342	0.0238545	-1.13349	1
CYP1A1	0.219378	0.225934	0.0424793	1
ZNF610	0.0343656	0.0422156	0.29681	1
N4BP2L2-IT2	0.281024	0.339828	0.274112	1
SEMA6A	0.0289475	0.034517	0.25387	1
LOC400927	0.818107	1.03285	0.336264	0.891309
ANO6	7.85652	7.66649	-0.0353243	0.974573
PON3	0.523179	0.42812	-0.289289	0.870767
MPL	0.0377638	0.0444703	0.235839	1
LOC100506730	1.6114	1.7312	0.103454	0.93305
MATK	1.09637	0.317956	-1.78584	0.0204286
C5orf54	0.797673	0.979767	0.296642	0.74248
TBC1D8B	0.494337	0.268964	-0.878083	0.133324
INSIG1	8.18784	15.7843	0.946936	0.00153868
PER1	3.46086	6.7716	0.968365	0.00153868
TMEM133	0.340715	0.473947	0.476161	0.643266
PLOD1	69.9141	72.0495	0.0434051	0.964843
ZNF793	0.00683997	0.0164202	1.26341	1
FABP2	0.00440392	0.0035071	-0.32851	1
LRRC37A2	0.143041	0.158769	0.150496	1

CRYZ	12.3858	18.1002	0.547323	0.399838
CALB2	11.3217	12.1097	0.0970689	0.913931
CD72	0.41451	0.248013	-0.740992	0.93855
GOLGA4	1.62454	3.46231	1.0917	0.00153868
ZNF10	1.67978	2.28315	0.442758	0.26052
TMEM8B	3.03383	1.83505	-0.725324	0.167611
CRY2	3.11061	4.60151	0.564909	0.104824
CAPN8	0.0200373	0.0129443	-0.630365	1
SLC1A1	1.37085	1.11908	-0.292759	0.678046
AASDH	1.51274	1.0407	-0.539615	0.2504
ABCA9	0.00796977	0.00569414	-0.485059	1
CGN	1.224	1.52387	0.316139	0.609058
ZNF17	0.91805	1.33904	0.544558	0.28265
ZNF235	0.269154	0.265379	-0.0203775	1
AXDND1	0.446391	0.453355	0.0223339	0.991515
LOC100288842	0.663194	0.301573	-1.13692	0.495318
RBM43	1.08887	0.502241	-1.11639	0.0117316
LOC729970	1.28287	0.944988	-0.441012	0.665303
MYO1F	0.077081	0.0617648	-0.319591	1
PNPLA7	1.23386	0.866099	-0.51058	0.376508
NXN	7.39795	4.15098	-0.833674	0.00659556
ROCK1P1	0.249238	0.16515	-0.59375	1
LOC440461	0.0921392	0.0129294	-2.83316	1
CD79A	0.637319	0.753994	0.242539	0.889851
HCFC2	0.487282	0.561374	0.204207	0.825602
KIF20B	0.703329	1.3172	0.9052	0.00970147
C10orf12	0.375173	0.586594	0.644806	0.243499
C3	0.00573274	0.0394861	2.78405	1
CLIP2	11.9921	8.54724	-0.488555	0.106278
IL17RE	0.534694	0.795885	0.573846	0.472341
MAN2C1	7.92213	9.49124	0.260709	0.61138
NR3C2	0.166025	0.0680722	-1.28626	1
SERPING1	0.026868	0.0117349	-1.19508	1
C12orf23	7.89517	8.90226	0.1732	0.756518
SH3GL2	0.0250605	0.0312895	0.320258	1
FONG	1.08298	0.969165	-0.160191	0.945399
PLCD1	2.79155	2.00358	-0.478487	0.371596
CABP7	0.0526157	0.036999	-0.508007	1
CRIP2	21.6324	20.1145	-0.104961	0.913039
ZSCAN12	0.411961	0.395449	-0.0590132	0.974108
ZNF30	0.402055	0.887068	1.14165	0.0347593
PHC3	1.15643	1.1233	-0.0419351	0.969901
GOLGA6L10	0.0245	0.0127069	-0.947172	1
FAM102B	1.26254	1.31346	0.0570399	0.962865
MT1JP	0.839802	1.80589	1.10459	0.450707
LOC100289137	2.04129	3.02355	0.56676	0.197192
STX1B	0.434758	0.275175	-0.65986	0.349063
LOC100996307	0.16647	0.0323445	-2.36367	1
TMEM135	1.65238	1.30772	-0.337484	0.418557

DDX26B	0.826375	0.764969	-0.111396	0.93285
ALKBH5	35.6968	55.4808	0.636192	0.0117316
HSPB9	0.0815189	0.136145	0.739934	1
DDX41	33.3541	55.6696	0.739026	0.00739414
HSPA4L	2.12128	4.11192	0.954876	0.00274688
TMEM161B-AS1	1.49921	1.90282	0.343933	0.773721
C5	0.227855	0.119848	-0.926909	1
LIMS2	0.0280118	0.0283128	0.0154217	1
ATPBD4	2.59941	1.94796	-0.41622	0.442213
SLC51A	0.143903	0.173661	0.271117	1
LOC255512	2.15054	2.96751	0.464557	0.640604
KLF7	0.0158403	0	#NAME?	1
NAB2	27.1726	34.8318	0.358255	0.692701
PTP4A3	8.72945	3.48068	-1.32652	0.00153868
ZNF500	2.88173	4.15434	0.527684	0.201817
IL11RA	0.659101	0.991109	0.588545	0.474234
LOC493754	3.56918	4.11085	0.203845	0.746432
GAPDHS	0.153662	0.25547	0.733392	1
CCT6P3	2.21551	3.40773	0.621173	0.111734
MGC45922	0.283244	0	#NAME?	1
ZNF416	2.66899	3.09501	0.21365	0.765759
ZNF440	1.97276	2.33811	0.245127	0.675573
TIGD3	1.58037	1.79986	0.187617	0.879418
RBPJ	6.45023	5.15191	-0.324243	0.39733
RIMBP2	0.00837253	0.00190047	-2.13931	1
RLTPR	0.0326419	0.0702609	1.106	1
KDM4B	8.62931	5.25653	-0.715134	0.0103919
GLCC11	0.536942	0.573136	0.0941116	0.950837
ZNF230	0.578658	0.82657	0.514426	0.333648
LIN7B	1.9175	2.55234	0.412594	0.780762
LOC441242	0.0379072	0.0638134	0.751389	1
STAG3L2	1.09695	1.89427	0.788137	0.16409
KIAA1958	0.451958	0.326088	-0.470928	0.633472
SNAI3	1.50698	1.81794	0.270645	0.883608
PABPN1L	0.0300941	0.107494	1.83671	1
ETNK2	0.830577	0.535383	-0.633543	0.415024
ZNF708	0.843225	0.968012	0.199107	0.824472
SLCO1B7	0.233089	0.100594	-1.21234	1
PDLIM2	93.1757	75.1762	-0.309677	0.409021
DENND3	0.711985	0.619569	-0.200581	0.852016
ZNF436	1.09093	1.53879	0.496244	0.303477
FLJ45340	3.17007	2.86646	-0.145248	0.828523
IRX6	0.0181288	0.0249206	0.459058	1
FGL2	0.00224117	0.00410123	0.871809	1
TMEM74B	10.5436	9.54062	-0.144219	0.856147
NLGN3	0.589355	0.590539	0.00289333	0.999138
FGF9	0.36162	0.491769	0.443505	0.553492
ACSBG1	0.0647439	0.257343	1.99088	1
SLC2A13	0.3318	0.417538	0.331593	0.662946

SEMA4G	3.00943	3.3955	0.174133	0.938232
GUCA1B	0.979766	1.60164	0.709037	0.179176
SPICE1	0.856014	0.776399	-0.140836	0.886094
MYL9	52.7259	96.1955	0.867458	0.00153868
MST1P2	0.709514	0.45335	-0.646208	0.483696
AK4	11.7692	14.5297	0.30399	0.424921
CKB	4.90053	4.18955	-0.226142	0.817355
CCDC40	0.328021	0.373674	0.18799	0.898731
EVI2B	0.0124705	0.0311994	1.323	1
DNAH17	0.132256	0.195772	0.565842	1
PIPOX	0.0767391	0.0348617	-1.13832	1
C12orf71	0.0466583	0.0233504	-0.998686	1
NPB	0.730223	1.1336	0.634507	0.952539
C8orf42	0.00688498	0.0194451	1.49789	1
LOC441081	0.15428	0.126598	-0.285297	1
CACTIN-AS1	0.103061	0.125687	0.286334	1
CYP39A1	0.290878	0.136404	-1.09252	1
ZNF41	0.207436	0.293315	0.499786	1
ZMYM1	1.44505	1.66185	0.201676	0.780964
PLEKHG7	0.00292129	0	#NAME?	1
KLHL31	0.0253574	0.0218353	-0.215742	1
NPR3	0.0111408	0.0080854	-0.462461	1
SYCE2	1.03445	0.923325	-0.163951	0.978031
SLCO1B3	6.37144	4.84188	-0.396051	0.277374
LOC100652999	0.116231	0.131905	0.182501	1
KIAA1919	0.420742	0.511328	0.281315	0.784528
UPRT	4.12729	3.12417	-0.401723	0.357918
NPAS2	5.97021	6.43622	0.108431	0.890882
JAG1	1.07753	1.50387	0.480949	0.283957
MIR100HG	0.00313034	0.00245627	-0.349853	1
ATP2B4	1.10841	1.26636	0.192192	0.775951
KLF11	1.22506	1.23532	0.0120406	0.994204
KCNIP2	0.177349	0.255858	0.528756	1
KIF12	0.687932	0.34372	-1.00103	0.210545
MID1	0.0186383	0.00709919	-1.39254	1
F8	2.21615	1.27935	-0.792643	0.20933
BCL2L11	1.69596	2.45262	0.532228	0.180192
LOC619207	0.111452	0.151206	0.440091	1
ZNF20,ZNF625	1.36703	1.96501	0.523498	0.245393
ARHGAP32	1.13542	0.780502	-0.540753	0.15255
EIF4A2	107.129	109.328	0.0293167	0.978818
NKTR	1.0782	1.87201	0.79596	0.250087
SP5	0.47457	0.292436	-0.698501	0.65998
SPATC1	0.0641381	0.32095	2.3231	1
AMER1	0.440043	1.12519	1.35446	0.00153868
ZNF776	0.972005	0.890099	-0.126998	0.900016
CPZ	17.9067	17.3297	-0.0472489	0.964442
ZNF517	4.97263	3.93292	-0.338408	0.57221
LOC100272217	0.581371	0.702642	0.27333	0.818403

PLIN2	27.1398	20.9407	-0.3741	0.269977
CMBL	12.838	9.63627	-0.413877	0.194669
PELI1	1.38317	1.20382	-0.200352	0.818092
MTMR9LP	2.25695	1.12674	-1.00222	0.0491395
SYNE2	1.86669	1.75246	-0.0910967	0.952184
PCDHGA1,PCDH1	5.45181	3.98221	-0.453165	0.331994
ZNF333	0.72599	0.487067	-0.575831	0.317314
CLEC2D	0.394565	0.341789	-0.207159	0.845917
C10orf11	9.50435	9.51007	0.000868311	0.999234
GATM-AS1	0.061855	0.0736908	0.252595	1
KIF9-AS1	0.2307	0.172939	-0.415754	1
PECR	2.38835	1.61088	-0.568166	0.26617
SIRT2	27.137	30.6788	0.176981	0.860285
DMXL2	1.45987	1.34509	-0.11814	0.884031
AQP8	0.0868282	0.138136	0.669855	1
GPRC5C	0.188909	0.0862779	-1.13063	1
MSL2	3.39457	4.01268	0.241336	0.643442
SLC9A3	0.319307	0.172498	-0.888363	1
ARSJ	1.4116	1.8975	0.426773	0.334299
ZNF439	0.978132	0.876534	-0.158219	0.894866
KNDC1	0.647383	0.454794	-0.509408	0.470574
DSC3	0.00142989	0.00902836	2.65856	1
LINC00673	0.264236	0.397134	0.587801	0.590519
LOC728537	0.733371	0.379664	-0.949822	0.229358
EFCAB10	0.486424	0.825257	0.76263	0.934861
ZFAT	1.03489	1.89075	0.869474	0.0181648
SNCG	0.0563348	0.0216204	-1.38163	1
TTC21A	0.203716	0.0987085	-1.04532	1
KBTBD7	0.174866	0.135216	-0.37098	1
SNAR-F	8.27402	8.14799	-0.022145	0.880357
FAM151A	0.217825	0.0956509	-1.18732	1
GMEB1	1.44588	1.07564	-0.426757	0.47797
SEC24A	1.58183	2.01209	0.347099	0.431488
PLAGL1	8.21067	6.10114	-0.42842	0.237038
ZBTB4	5.42465	5.08191	-0.0941605	0.906667
B3GAT2	0.978404	1.11914	0.193886	0.95935
UBE2O	6.84377	8.55022	0.321171	0.403223
ZNF788	0.0550949	0.0369215	-0.57746	1
TMOD3	3.52307	3.82871	0.120023	0.874107
DDX50	20.5195	15.7554	-0.381147	0.24507
METTL25	0.446005	0.760471	0.769833	0.859711
LOC283731	0.0209735	0.0374821	0.837633	1
FCAR	0.00906195	0.00957559	0.0795393	1
ZNF442	0.318706	0.342854	0.105367	1
USPL1	1.79757	3.11543	0.793388	0.00970147
TMEM120A	22.9257	29.7732	0.377051	0.770773
CFDP1	18.3237	21.6644	0.241619	0.614163
PHF3	4.03831	3.55742	-0.182921	0.736178
LOC338799	1.69063	1.84124	0.123114	0.939948

AGAP2	0.354622	0.325532	-0.123485	1
BBS12	0.767918	1.28106	0.738315	0.106507
C15orf48	0.109708	0.268562	1.29159	1
INADL	1.23892	0.70525	-0.81288	0.00897284
LOC407835	0.0318357	0.0121243	-1.39275	1
FAM13A	1.07011	1.30828	0.289903	0.622249
LOC729683	0.380478	0.660146	0.794973	0.386372
POU5F1	0.0613215	0.0889748	0.537005	1
TPD52	23.1265	24.4325	0.0792529	0.921691
FAM8A1	1.0136	1.44952	0.516079	0.241211
LOC100630918	1.47527	2.00365	0.44165	0.592157
DNAJB1	50.1136	160.136	1.67602	0.00153868
ATP7A	0.396706	0.295139	-0.426674	0.496751
SIRT4	1.30781	2.5357	0.955231	0.0827369
CFL1P1	0.0445303	0.0210133	-1.08348	1
PRAM1	0.162865	0.0524754	-1.63396	1
ITGA3	29.8466	36.7885	0.30169	0.415334
TEF	1.66853	3.81303	1.19236	0.00153868
HM13-AS1	0.197039	0.338762	0.781791	1
ITIH4	0.252474	0.149839	-0.752718	1
SUCLG2	19.382	18.0293	-0.104371	0.884031
MIPEPP3	0.298768	0.528424	0.82267	0.925563
FAM22D	0.128561	0.187818	0.546879	1
PCMTD1	1.92471	1.12453	-0.775319	0.0290262
CA3	0.485754	0.322301	-0.591818	0.556775
ZMAT3	2.28181	3.5102	0.621379	0.0264621
NAPB	1.25612	2.23647	0.832252	0.0117316
PLD1	0.155222	0.090439	-0.779319	1
ZNF438	0.957079	0.531224	-0.849317	0.0913904
ZPLD1	0.0130895	0.00723731	-0.854885	1
MSRB3	0.352376	0.309152	-0.188802	1
LHB	1.6952	1.26105	-0.426833	0.822199
ATAD2B	0.284918	0.331292	0.217553	1
MTMR11	1.94458	0.891657	-1.1249	0.0130226
HLX	0.270439	0.312668	0.209329	1
ZNF821	3.36029	2.55374	-0.395976	0.498357
LGSN	0.00186946	0.00145326	-0.363327	1
NGLY1	12.4361	11.7802	-0.0781725	0.926243
RAET1K	1.06092	2.4873	1.22926	0.00153868
NUAK2	0.193182	0.289312	0.58267	1
MYO1E	4.03019	3.56104	-0.178551	0.767689
PANK1	0.208633	0.3633	0.800197	1
ZNF805	0.837693	0.744974	-0.169232	0.831834
KDELRL3	10.5501	7.0552	-0.580498	0.842721
CTDSPL2	2.00882	1.87816	-0.0970255	0.919694
TMEM253	0.377133	0.375928	-0.00461564	0.998572
COL7A1	0.425056	0.572075	0.428551	0.867514
LOC148709	0.134481	0.29706	1.14335	1
ANKRD18B	0.0025266	0.00238541	-0.0829587	1

ZMYM3	5.1759	4.91806	-0.0737201	0.988611
ANKRD19P	0.573142	0.865912	0.595327	0.426872
CCT6P1	2.34881	2.59876	0.145896	0.890207
GPR56	0.0300372	0	#NAME?	1
PLEKHF2	4.71642	4.19683	-0.168391	0.806478
THUMPD2	6.7391	10.382	0.623455	0.0290262
CCDC138	0.769434	0.933495	0.278844	0.777523
C7orf60	2.52794	2.99151	0.242911	0.67663
ATF2	2.91502	3.65527	0.326472	0.457337
ST7-AS1	3.52074	1.4917	-1.23892	0.455649
ZNF658	0.167958	0.165812	-0.0185523	1
ZNF700	2.50152	3.40773	0.446005	0.277238
SLC25A36	10.673	8.76834	-0.283584	0.469274
RGS11	9.42582	7.76796	-0.279081	0.599368
SNTA1	10.7495	10.8905	0.0187963	0.987173
GPR183	0.00643091	0.0100351	0.641954	1
LYRM9	2.16152	0.80097	-1.43223	0.0123712
DAPK2	0.527259	0.574884	0.124761	0.943181
RGS4	7.48437	12.2902	0.715549	0.00380811
GZMM	0.204788	0.476341	1.21786	0.438784
ZNF510	1.1662	1.56768	0.426809	0.323795
GALK2	6.93187	4.57184	-0.600469	0.0512103
RASA2	0.42393	0.528106	0.317003	0.767689
SLC2A1	63.8804	62.0095	-0.0428845	0.963782
LOC100131626	0.0404115	0	#NAME?	1
RTBDN	0.566038	0.204638	-1.46782	0.126516
KLF9	0.900954	0.451084	-0.998057	0.0187307
ABCB6	7.1107	11.7263	0.721686	0.0137404
FGF18	0.151134	0.371632	1.29805	0.243299
ZNF284	0.527919	0.877868	0.733688	0.219415
BST1	0.316496	0.478267	0.595629	0.629991
MAP1A	0.0980761	0.0683353	-0.52127	1
GCAT	78.4663	72.2352	-0.119373	0.865084
ZNF417	0.347629	0.248932	-0.481801	1
ZNF225	0.42578	0.602951	0.501933	0.497376
NT5M	7.14839	5.3688	-0.413019	0.438288
DNHD1	0.585758	0.796045	0.442546	0.642802
CCDC79	0.00400599	0.0110861	1.46853	1
EBI3	0.2926	0.191901	-0.608564	1
ZNF114	5.18054	4.4885	-0.206868	0.744058
GPATCH11	0.820561	1.0498	0.355438	0.720194
BHLHE41	2.00386	2.34998	0.229867	0.739517
MIPOL1	0.245433	0.226289	-0.117165	1
WFDC10B	0.137619	0.132958	-0.0497017	1
RAPGEF6	0.740295	0.937456	0.340651	0.512429
RHBDL1	1.55833	2.58484	0.730068	0.26241
C1QTNF4	0.5241	0.577825	0.14079	0.968157
C14orf37	0.888035	0.50779	-0.806383	0.114535
RHOBTB1	0.34118	0.326581	-0.0630938	1

WEE1	18.2207	12.5158	-0.54183	0.0519269
SLC25A24	3.2131	2.74792	-0.225623	0.700039
ZNF599	0.269409	0.321952	0.257047	1
BTG2	7.2971	8.98372	0.299989	0.496238
HIC2	1.18471	1.49266	0.333355	0.557974
LOC339874	0.157247	0.0333532	-2.23714	1
AHNAK2	1.15219	0.321713	-1.84053	0.00153868
VN1R2	0.0187161	0.10568	2.49735	1
CREB5	1.91773	0.827602	-1.21239	0.00153868
THAP9-AS1	9.54031	8.99976	-0.0841497	0.929057
DAPP1	0.00367034	0.00348401	-0.0751646	1
CADPS2	0.471843	0.663434	0.491647	0.385322
HSD17B14	19.0168	18.0785	-0.0730033	0.942091
SMAD3	2.90672	3.64221	0.325421	0.450619
ZNF527	0.700045	0.752349	0.103954	0.932349
LOC729852	1.92227	1.83027	-0.070754	0.977857
IQCH	0.6364	0.444902	-0.516445	0.938755
SIDT2	2.69451	2.18737	-0.300823	0.902886
LOC100505783	0.873635	0.261858	-1.73825	0.0243026
FRMD3	0.0222148	0.0369086	0.732439	1
LOC283693	0.029106	0.0555337	0.932049	1
C2orf88	0.715842	1.23264	0.784042	0.0464744
IKZF5	2.66292	2.74134	0.0418719	0.971528
SSH2	0.696379	0.823676	0.242203	0.707074
MAP2K1	34.3431	39.8677	0.215198	0.665721
FOXC1	0.0048784	0	#NAME?	1
DDB2	18.5799	12.0369	-0.626276	0.0403493
HOXA3	0.456621	0.441323	-0.0491644	0.981659
GOLGA8B	3.65842	3.67788	0.00765125	0.994734
XKR9	0.106117	0.130988	0.303772	1
SNAPC3	1.89747	2.16624	0.191115	0.809647
SPAG6	0.00454425	0	#NAME?	1
CAPRIN2	16.0506	20.7435	0.370033	0.28912
TRIM16L	3.97456	3.63962	-0.127008	0.897319
LOC100507547	1.94155	1.05868	-0.874946	0.838902
COBLL1	0.068519	0.0657175	-0.0602255	1
ELF5	0.00540347	0	#NAME?	1
FAM76B	1.25901	1.18801	-0.0837442	0.945399
FBXO42	5.71787	6.01529	0.0731568	0.939068
ZNF25	1.24296	0.773808	-0.683728	0.106278
KRT86	0.0578216	0.113999	0.979348	1
MLL5	3.72757	3.57305	-0.0610816	0.946429
ZNF273	0.828292	0.771374	-0.102709	0.935301
MYO9A	0.163687	0.155812	-0.07114	1
CBLN3	0.205407	0.127842	-0.684122	1
NREP	0.0313506	0.0290354	-0.11068	1
MANBA	7.50216	3.7877	-0.985983	0.00153868
DCUN1D2	2.57569	4.93022	0.936691	0.00380811
SMIM1	4.04879	3.27149	-0.307541	0.821796

ARFGAP3	4.81498	7.5599	0.650838	0.0393841
PDX1	1.67793	1.98244	0.240596	0.812379
CAMK2D	2.86968	1.40723	-1.02803	0.00153868
CROCCP3	0.252925	0.430996	0.768962	0.224366
SH3YL1	4.70697	4.15887	-0.178607	0.82034
DEPDC7	1.2241	2.09332	0.77407	0.0919662
RAG1	0.0456538	0.0167992	-1.44234	1
LOC613037	3.39168	5.75216	0.762104	0.0270318
FAM172A	1.61639	1.15326	-0.487066	0.61081
VAMP1	2.69388	5.18784	0.94545	0.070901
TBX3	1.25864	2.39379	0.927426	0.00897284
HOXC9	1.07193	1.30019	0.278513	0.834016
PLEKHA1	2.77141	3.51144	0.341446	0.447372
DUSP10	0.643867	0.307905	-1.06428	0.107075
ZC3H10	2.28096	3.06393	0.425742	0.456688
GRIN3A	0.0386145	0.0485997	0.331807	1
PAIP2B	1.48679	0.673312	-1.14285	0.00153868
FAM226A	0.34893	0.537531	0.623411	0.500835
PALM3	10.0519	12.3811	0.300681	0.491486
PHLDB2,PLCXD2	0.424853	0.395294	-0.10404	0.940466
METTL14	2.22666	2.37864	0.0952583	0.934861
TIGD7	0.091636	0.119596	0.38418	1
ACAP1	0.445035	0.418521	-0.0886181	0.967343
ZNF512B	0.0340425	0.0568758	0.740479	1
KCNMB2-IT1	0.0257552	0	#NAME?	1
C22orf43	0.135414	0.154646	0.191584	1
OSR2	7.27784	8.05027	0.145526	0.869966
ATM	1.07773	0.896334	-0.265889	0.6084
LOC646329	16.979	17.5085	0.0443044	0.962687
PTBP2	2.64326	2.81569	0.0911725	0.926279
CUX1	19.092	18.9177	-0.0132258	0.994068
CEP170	0.00138513	0.00111603	-0.311645	1
ZNF91	0.76068	1.09347	0.523553	0.231051
FABP3	0.0620233	0.146491	1.23993	1
ZNF324B	1.94168	2.65446	0.451113	0.401008
EFNA5	0.690351	0.789839	0.194228	0.840937
DARS	44.9952	35.4558	-0.343748	0.318494
SLC6A10P	0.0271503	0.0320896	0.241135	1
AMPD2	28.1837	40.955	0.539176	0.0525851
C1orf110	0.122265	0.181465	0.569686	1
HAS3	0.986223	2.30085	1.22218	0.527665
FGF8	0.789473	1.13477	0.523438	0.679486
PTPRF	17.6237	19.7177	0.161973	0.765759
C5orf30	3.51875	5.0944	0.53385	0.120863
LHPP	7.1185	7.70243	0.113739	0.908661
NUDT12	2.39556	1.58974	-0.591569	0.117237
PPARA	0.803047	1.0609	0.401727	0.369226
FLJ42709	0.315257	0.345578	0.132481	1
AK8	0.794395	0.406936	-0.965054	0.173509

ARHGDIG	0.409058	0.0397638	-3.36278	0.645558
FGFR4	9.9864	12.1207	0.279437	0.549024
MAN2B1	20.3402	22.2567	0.129901	0.844936
ZNF514	0.979651	1.17659	0.264271	0.739148
OPRL1	1.64798	0.769128	-1.0994	0.0137404
BCKDHA	82.6133	68.8072	-0.263814	0.542635
JSRP1	24.355	20.0061	-0.283778	0.613181
SEMA4B	9.58803	13.7439	0.519481	0.0809491
IDH2	41.9219	38.7505	-0.113488	0.871917
ZNF493	0.783031	0.973827	0.314596	0.784692
LOC400752	0.564482	0.330886	-0.77059	0.447942
SLC25A30	0.506499	0.938517	0.889825	0.0504359
TSPAN5	2.91712	2.013	-0.535197	0.194509
PLEKHH1	1.57682	1.11695	-0.497451	0.665343
ZNF563	0.676146	0.718915	0.0884863	0.954167
EPOR	4.53492	4.31698	-0.0710534	0.952184
IFLTD1	0.00915721	0.0156227	0.770666	1
ACCS	1.15149	0.628005	-0.874651	0.161367
LOC100294362	0.0979988	0.27289	1.47748	1
ANKRD50	0.712241	0.718428	0.0124784	0.993604
EID2B	1.73133	2.38731	0.463503	0.444145
IPMK	1.36463	1.47493	0.112135	0.899998
MLL	0.704973	0.780464	0.146764	0.848628
MYOM1	0.094521	0.049628	-0.929482	1
LOC283335	0.353895	0.364953	0.0443869	1
TOX2	8.52419	3.36868	-1.33938	0.00153868
ZNF226	3.62654	3.94418	0.121133	0.933717
MYO1A	0.0420271	0.0110319	-1.92964	1
ABRA	0.00380706	0.0144522	1.92454	1
REPS2	0.274726	0.122999	-1.15935	1
RALGDS	36.7076	40.9696	0.158473	0.779038
CACNA2D2	0.134653	0.136352	0.0180893	1
THBS3	1.54658	0.929543	-0.734484	0.128429
HAS2	0.263493	0.408987	0.634288	0.40127
SLC25A41	0.910932	1.14119	0.325121	0.782409
C17orf58	13.084	11.1005	-0.237176	0.666852
FGD6	0.0633564	0.0512741	-0.30526	1
FAM110A	7.55904	8.31855	0.138128	0.886331
PDXDC2P	1.95924	2.63093	0.425277	0.347688
ZNF554	0.976312	0.613695	-0.669821	0.203478
LOC645212	3.29451	3.15397	-0.0628949	0.961248
ZNF431	1.52908	0.891635	-0.778141	0.0410754
LGALS8-AS1	0.427797	0.210523	-1.02295	0.880021
MAP1LC3A	0.0850024	0.0829829	-0.0346902	1
WNT4	0.265531	0.14612	-0.861726	1
ROR1	0.0479701	0.0777374	0.696473	1
CALML4	1.49211	2.93632	0.976657	0.00153868
PRELID2	4.78849	2.55223	-0.907814	0.00820276
NAB1	3.54216	3.82495	0.11081	0.886468

LOC284751	0.267078	0.0764678	-1.80434	1
THAP9	0.680288	0.292847	-1.216	0.400688
C10orf137	1.29788	3.15092	1.27962	0.00153868
ZNF398	2.27799	3.60187	0.660986	0.0243026
CHST13	0.476886	0.104593	-2.18885	0.254182
ZBTB6	2.22432	2.86113	0.363219	0.39733
DMBT1	0.0479596	0.0186724	-1.36091	1
ANKZF1	29.449	22.6986	-0.375616	0.267972
ZNF184	1.46002	1.53801	0.0750774	0.952184
DBP	10.8965	11.2459	0.0455363	0.971768
DGKH	0.235419	0.253245	0.105299	1
TOB1	8.21958	9.72007	0.241904	0.654907
CLYBL	0.459975	0.365055	-0.333442	0.716797
CBR3-AS1	0.565303	0.339032	-0.737603	0.872122
MTMR3	3.25149	2.61949	-0.311814	0.436615
LINC00853	1.29512	0.23856	-2.44067	0.0955341
FAM63B	0.315904	0.145591	-1.11756	1
EFNA1	14.7488	24.0651	0.706342	0.0143403
HCFC1R1	263.995	286.811	0.119586	0.922274
GCHFR	52.8271	61.9649	0.230172	0.65944
CPQ	5.84182	5.02371	-0.217664	0.741015
BTBD8	0.0581805	0.0572823	-0.0224474	1
TCP10L	0.486551	1.0861	1.1585	0.0259174
EMID1	6.31088	6.20893	-0.0234953	0.985712
SMG1P1	0.0479615	0.0542034	0.176507	1
PLCE1	0.0415487	0.0316897	-0.390789	1
ZNF767	1.6111	2.85952	0.827732	0.0403493
ZBTB5	1.92678	2.00691	0.058785	0.960032
AKAP5	0.0946776	0.153098	0.693358	1
ZNF136	0.869073	0.703155	-0.305635	0.709707
MDH1B	0.209217	0.0600546	-1.80065	1
TMEM68	6.68425	6.33444	-0.0775486	0.96692
FAM117A	8.3075	7.10492	-0.225596	0.700524
ANKRD33B	1.23199	1.36278	0.145558	0.85718
PAN3-AS1	0.573687	1.24627	1.11928	0.623292
TEP1	0.839799	0.805886	-0.0594694	0.960417
STARD5	1.10895	1.18015	0.0897829	0.964843
MARCH1	0.120287	0.161036	0.420896	1
RHCE	0.323578	0.191967	-0.753258	1
PTGER2	0.017615	0.0051449	-1.77559	1
EPAS1	1.8899	1.21899	-0.632621	0.114327
OCM	0.131529	0.105147	-0.322968	1
MLK7-AS1	0.0317509	0.0345418	0.121545	1
GABBR1	3.01275	2.93455	-0.0379413	0.97562
GSDMB	1.28856	1.68732	0.388971	0.628025
MED23	1.53828	1.32948	-0.210454	0.767606
CYP2W1	0.0362385	0	#NAME?	1
GPR135	0.226315	0.569979	1.33258	0.319187
ZNF764	2.55078	4.1966	0.718286	0.0657182

ACBD7	1.19339	2.2987	0.94575	0.0117316
GK5	0.531762	0.58212	0.130534	0.88987
PRSS36	0.398688	0.270382	-0.560261	0.642802
CEACAM8	0.00526208	0.0128137	1.28399	1
CDH15	0.578925	0.508413	-0.187375	0.916191
SPAG5-AS1	0.295398	0.078108	-1.91912	1
FNIP1	4.54506	2.74104	-0.729575	0.00572929
RAB13	77.2685	89.7709	0.216368	0.635064
RNF2	7.18441	7.64922	0.0904437	0.91015
SP6	1.80989	2.33179	0.365532	0.515101
TARBP1	3.4129	2.83396	-0.268179	0.597911
PPP1R32	0.617177	0.45223	-0.448629	0.737085
NSUN5P2	5.09356	7.50142	0.558488	0.786286
HPCAL4	0.749414	0.603921	-0.311402	0.70639
ACTR1B	64.257	54.7644	-0.230615	0.622936
BMPR2	0.583739	0.517101	-0.174875	0.821453
LOC100506394	0.0985948	0.103847	0.0748732	1
RLN1	0.0143998	0.0128176	-0.167928	1
PUS10	0.349417	0.264725	-0.400454	1
AKR7L	1.55523	2.40274	0.627552	0.169723
CBR3	12.9145	11.794	-0.13094	0.883779
FAM106A	0.00535245	0.0051038	-0.0686258	1
LOC283070	6.16816	5.39354	-0.193607	0.769834
EMILIN3	2.37339	2.30597	-0.0415755	0.981441
ZNF253	1.06046	1.10979	0.0655997	0.96692
ZKSCAN7	0.470427	0.616752	0.390717	0.674634
DIP2A-IT1	0.0373687	0.0890843	1.25334	1
TJP2	3.55017	2.0456	-0.795368	0.0111246
SLX1B,SULT1A4	0.503829	0.534768	0.0859801	0.97717
CEP70	2.24813	1.76561	-0.348561	0.51814
LAMA4	0.00145473	0	#NAME?	1
WHAMMP2	0.0271954	0.0222285	-0.290954	1
RNF169	0.991738	0.666396	-0.573579	0.661616
MEGF11	0.0159328	0.0215255	0.434049	1
FAM110C	0.858215	0.971338	0.178636	0.864177
CRKL	9.39536	12.6316	0.427017	0.166246
LINC00161	0.0264986	0	#NAME?	1
VCL	9.37604	8.68883	-0.109817	0.87748
ADAMTS13	2.90644	1.6699	-0.799492	0.815365
NOMO2	0.649824	0.804974	0.308894	0.715755
TUBB6	3.40422	2.8051	-0.279272	0.730925
PEX2	5.67908	5.04792	-0.169967	0.780068
LINC00115	1.21838	2.74685	1.17281	0.0285456
FGF17	2.17755	3.50186	0.685416	0.298627
SLC44A3	0.533535	0.392037	-0.444594	0.628025
GAPDH	6235.84	6585.6	0.0787318	0.947923
SHANK3	4.79609	8.07682	0.75193	0.00380811
LINC00511	0.0216616	0.00896615	-1.27258	1
SERPINF1	0.214903	0.395021	0.878244	0.473009

ZNF568	0.0632038	0.0211462	-1.57961	1
FPR3	0.0135052	0.0269433	0.996406	1
LOC100507373	0.375369	0.535774	0.513317	0.950064
NR4A2	0.332434	0.578038	0.798094	0.19932
SKIL	0.956207	0.679127	-0.493642	0.264777
KIF27	0.278042	0.335095	0.26927	1
CCDC38	0.00559734	0	#NAME?	1
MAPRE3	0.705564	0.864493	0.293076	0.818547
TRAPPC9	6.45146	4.76051	-0.43851	0.210405
FAM219A	6.44834	6.94626	0.10731	0.894391
MYO1B	7.73193	8.53456	0.142487	0.8146
C4orf22	1.78863	0.902299	-0.987176	0.147823
DACT3	2.0439	2.14029	0.0664799	0.988327
ARSK	0.762706	0.847115	0.151431	0.899607
ARHGAP18	1.03646	0.328753	-1.65659	0.00153868
LINC00649	0.00456997	0.0185322	2.01977	1
CCDC96	0.507188	0.88505	0.803239	0.943284
RFESD	1.27465	0.836773	-0.607196	0.32964
C20orf196	1.4428	2.54894	0.821022	0.141482
ZNF585A	0.666732	0.566946	-0.233897	0.804859
NFIL3	20.3645	16.7669	-0.280444	0.495123
LOC100506123	1.57029	1.50618	-0.0601414	0.96513
PTOV1	46.7956	65.1618	0.477655	0.118979
MAML3	0.659819	0.358213	-0.881252	0.614106
FSTL1	0.0148617	0.0308365	1.05304	1
ZNF391	0.458291	0.414218	-0.145874	0.941934
ZSWIM5	0.163975	0.0417089	-1.97505	1
WDR60	1.80363	1.70404	-0.0819426	0.943051
NBPF14	2.07487	2.63552	0.345065	0.473009
ZNF337	3.02207	2.9596	-0.0301347	0.978818
HMGCS1	1.96079	4.33702	1.14527	0.00153868
ABCA10,ABCA5	0.362437	0.384337	0.0846409	0.949
B9D2	5.94883	7.41683	0.318197	0.756508
AMN1	0.83188	0.625034	-0.412441	0.638482
RASA4	3.86437	2.65385	-0.542144	0.1252
PRPSAP1	18.6385	21.9184	0.233857	0.61305
LRRC69	0.10204	0.196146	0.942795	1
CCDC102A	4.06206	4.5401	0.160512	0.869513
RRM2B	6.89383	8.38315	0.282188	0.50153
SLC2A11	2.1975	2.67569	0.284043	0.707049
TGFB111	42.9905	29.6122	-0.537827	0.0663805
PGAP3	1.26472	1.3964	0.14289	0.912937
DDHD2	2.79256	2.76872	-0.0123712	0.992529
MLL3	1.04624	0.991927	-0.0769121	0.933523
PPCS	31.1459	28.7455	-0.115707	0.8723
SRRM1	14.2033	23.3612	0.717884	0.00380811
ZNF799	1.30665	1.72429	0.400124	0.500058
TP53INP1	1.54762	0.898511	-0.78444	0.0308509
C14orf28	0.879517	0.529574	-0.731878	0.180946

C2orf72	4.97654	4.3153	-0.205682	0.742994
CDKN2A	1.95806	1.49536	-0.388934	0.72151
GOLGB1	2.02714	2.32281	0.196425	0.73115
SLC44A1	8.33533	7.75222	-0.10463	0.885904
LMO7	1.91528	1.27056	-0.592087	0.0695357
RUFY2	1.46906	1.4188	-0.0502217	0.968712
CCDC19	0.0965413	0.200769	1.05632	1
TBC1D9B	22.3239	25.7288	0.204797	0.673957
KBTBD3	0.472115	0.325039	-0.538525	0.896541
LOC100216546	0.158553	0.179386	0.178099	1
TMOD1	0.792451	0.569779	-0.475918	0.974348
BTBD11	0.310884	0.362045	0.219792	1
IRF6	0.00267588	0.0025396	-0.0754121	1
ZNF564	1.4375	1.75627	0.288952	0.663419
LOC541473	0.475439	1.07549	1.17766	0.219177
PRKCG	3.94276	2.69536	-0.548728	0.1987
BCAM	27.1731	29.2157	0.104563	0.890583
LINC00636	0.012742	0	#NAME?	1
TIE1	0.0515823	0.0746633	0.533522	1
GKAP1	1.62868	1.66714	0.0336701	0.982229
ZIC2	3.96804	5.3374	0.427711	0.350684
HCN3	0.489352	0.904627	0.886452	0.194085
KIAA1324L	0.216896	0.128746	-0.752478	1
HTR2B	0.0430045	0.136038	1.66145	1
SHC1	122.051	149.932	0.296822	0.445041
FLJ39639	0.173084	0.207683	0.262908	1
RUNDC3A	0.61767	0.825696	0.418775	0.718147
NIPSNAP1	57.83	45.6875	-0.34002	0.344644
ENPEP	0.0207004	0.0105381	-0.974044	1
TFAP2A	2.46412	3.79831	0.624285	0.104245
PYGL	44.6607	44.4471	-0.00691638	0.994734
MXI1	9.78635	8.80823	-0.151919	0.81114
TIA1	5.57727	6.36264	0.190068	0.726456
SPAG16	5.46082	5.06564	-0.108375	0.917701
RAB33A	0.143284	0.0369924	-1.95357	1
LOC339666	0.0928807	0.122528	0.399662	1
LOC400680	0.392145	0.561227	0.517198	0.432985
VMAC	1.02103	0.481586	-1.08416	0.156345
ANKRD9	13.1552	12.3322	-0.0932046	0.937886
PRKRA	16.1015	22.019	0.451554	0.349617
PGAM1	360.284	490.034	0.443749	0.167459
ZNF816,ZNF816-2	2.41844	3.10878	0.36227	0.490657
EXOC4	13.3326	9.70416	-0.458279	0.123524
ZNF552	1.49081	1.94811	0.385976	0.513296
ZNF107	0.550012	0.842379	0.615005	0.18082
ZNF143	3.03198	3.93988	0.37789	0.373973
LGALS1	1567.8	1735.74	0.146807	0.813368
SOX4	6.28962	7.54528	0.262602	0.566752
GRM8	0.00314096	0	#NAME?	1

CUL7	4.50101	4.21731	-0.0939243	0.913875
ING4	4.85606	4.02197	-0.271883	0.711466
GLB1L	0.625707	0.544222	-0.201291	0.880552
RRAGA	50.1067	63.8575	0.349854	0.308398
TMEM27	0.337406	0.0930765	-1.858	1
ANGPTL4	86.0816	102.195	0.247542	0.554964
ARL4C	0.100464	0.0908274	-0.145479	1
SLC25A4	12.0435	17.7554	0.559999	0.0438785
PPP1R21	2.84984	3.30685	0.214577	0.73154
SMAD4	3.23009	3.20598	-0.0108088	0.994058
ZNF512	3.1005	6.19071	0.997602	0.00153868
ZNF350	2.1529	2.00847	-0.100188	0.928193
HBE1	97.9346	130.857	0.418102	0.171813
SLC37A2	0.244185	0.155682	-0.649368	1
PARP11	0.8648	0.399562	-1.11394	0.0181648
TGM2	113.922	133.405	0.227769	0.630091
RAB2B	2.8938	3.38663	0.226886	0.726353
C16orf3	0.0966758	0.0164415	-2.55581	1
RICTOR	1.1903	0.922801	-0.36724	0.405098
NPIPL3	2.87134	3.57669	0.316898	0.584562
RASL11A	2.34897	7.79277	1.73011	0.00153868
PPFIA4	0.0805366	0.111945	0.475075	1
SDC4	44.4361	44.7717	0.0108546	0.992823
SLC25A5-AS1	0.256782	0.192888	-0.41278	1
DAW1	0.0210329	0.0062894	-1.74166	1
ZNF680	1.1723	1.22038	0.0579939	0.96734
HCG4B	0.327851	0.25905	-0.339809	1
TTC3	2.12023	2.96358	0.483119	0.136653
METTL21B	2.55689	3.06447	0.261249	0.694591
ASS1	102.504	97.392	-0.0738025	0.93064
MTTP	0.019471	0	#NAME?	1
PATL2	0.179952	0.0754425	-1.25417	1
KGFLP2	0.123909	0.111595	-0.151006	1
LRRC73	2.25555	1.84708	-0.288231	0.783261
MTMR7	0.81521	1.05396	0.37058	0.774294
EHD2	6.03273	5.10022	-0.24225	0.681816
MCF2L2	0.105346	0.0513158	-1.03766	1
ADH6	0.0155682	0	#NAME?	1
ACSF2	5.05222	5.09094	0.0110149	0.994068
FGFR1OP2	6.33011	7.7947	0.300263	0.698989
LOC253039	1.87031	1.09891	-0.767205	0.0451232
GNG3	0.137672	0.0984235	-0.48416	1
TBC1D3	0.152221	0.154828	0.024492	1
LOC100506714	1.13237	1.22846	0.117501	0.945887
ERCC2	19.1369	19.543	0.0302974	0.982723
UBR3	1.44552	2.4997	0.790171	0.00478151
LOC100506599	0.571578	0.693658	0.279275	0.785826
PCCA	1.09306	0.882726	-0.30833	0.787214
FAM228B	0.962242	0.277359	-1.79465	0.0111246

POM121L10P	0.0130689	0.0475871	1.86444	1
SGSM2	7.27235	8.32957	0.195821	0.720882
KANSL2	8.86706	9.91977	0.161852	0.795289
SERGEF	15.469	16.0257	0.0510074	0.961236
TNFRSF13C	1.14042	0.621634	-0.875431	0.438793
ZNF404	1.7567	1.58962	-0.144185	0.905545
JAK3	1.03536	0.659375	-0.650965	0.200395
LOC220729	0.869862	2.0805	1.25807	0.00820276
OXCT2	1.09647	2.36306	1.10779	0.838902
ZYG11B	1.35291	1.4804	0.129923	0.876392
HLA-F-AS1	0.901416	2.20403	1.28988	0.688049
CYP4F11	0.101149	0.0336443	-1.58804	1
JMJD1C-AS1	0.4074	0.304216	-0.421351	0.971282
CAT	5.68631	4.72402	-0.267477	0.621348
ZNF529	1.32667	1.49436	0.171724	0.84703
SUV420H2	6.26679	6.92994	0.145116	0.873059
TRAF5	3.2561	3.62989	0.156783	0.820487
KLRAP1	0.149235	0.162336	0.121403	1
S100A13	396.969	578.774	0.543974	0.226046
PI4KAP1	9.39831	11.6852	0.314216	0.485006
SERPINA10	0.00542199	0.0125719	1.21331	1
ARHGEF17	2.51297	1.69368	-0.569237	0.106773
WFDC13	0.00881938	0	#NAME?	1
FAM201A	3.10284	1.93859	-0.678582	0.20739
YEATS2	8.91995	7.3273	-0.283754	0.472128
APLF	0.235036	0.178585	-0.39627	1
GM2A	8.7238	6.23843	-0.483774	0.127176
PFKL	49.2327	45.3035	-0.119993	0.864177
AK3	6.29563	6.55779	0.0588602	0.950862
GYS1	43.7584	33.5088	-0.38502	0.271583
MBIP	3.98341	3.92012	-0.0231059	0.985492
NECAB1	0.0358954	0.0421492	0.231708	1
LRRC28	3.87419	3.02307	-0.357882	0.59463
NF1	0.781981	0.735638	-0.0881373	0.945399
RASL11B	0.00719368	0.0196648	1.45081	1
SAV1	10.4247	7.72738	-0.431961	0.178671
TGFBR2	0.776532	0.758457	-0.0339773	0.981543
C4orf29	0.646427	0.589506	-0.13298	0.967978
ADIRF,AGAP11	39.8153	48.1142	0.27314	0.592657
TBC1D12	1.16123	1.02053	-0.186344	0.821878
DST	0.864391	0.626491	-0.464391	0.200495
GULP1	1.65988	1.27362	-0.382137	0.495681
ZFP1	1.63394	2.29894	0.492618	0.237263
IRX5	0.357751	0.295094	-0.277785	1
CCNI	48.349	31.5629	-0.615256	0.0198871
SSFA2	5.11377	5.87544	0.200309	0.704317
LOC100289341	1.4887	1.87321	0.331454	0.726456
KIAA1217	1.90515	1.03808	-0.875979	0.0111246
GP5	0.00539846	0	#NAME?	1

AMOTL1	0.0511707	0.0194888	-1.39267	1
ENO1	1755.56	2271.92	0.371981	0.357575
WDR96	0.0489973	0.0172434	-1.50666	1
F2R	0.626187	0.289767	-1.1117	0.0496513
TANC2	1.31612	0.904111	-0.541724	0.132824
ABCB7	11.4676	8.4787	-0.435646	0.192807
S100A1	0.423419	0.299061	-0.501644	0.952429
LOC440354	0.206125	0.292324	0.504045	1
BOD1	27.9872	28.2423	0.0130902	0.991167
AGPHD1	2.11939	1.6541	-0.357606	0.734343
FAM126B	0.904443	0.997667	0.14153	0.861774
CCDC112	1.91052	1.58415	-0.270249	0.702417
SCARF2	1.22858	1.00893	-0.28416	0.823091
PLEKHG4B	0.00354093	0.0097194	1.45674	1
CLEC18B	0.154852	0.142748	-0.117422	1
NEK2	8.41667	6.61377	-0.347776	0.406256
GAS6	18.9071	23.5482	0.316694	0.434883
LRRCC1	1.2646	1.20607	-0.0683749	0.956369
MGAT4A	0.717046	0.842022	0.231792	0.79728
FEM1B	1.16555	0.883789	-0.399232	0.599713
FAM154B	0.0679806	0.0775204	0.189452	1
SCAI	0.884792	0.768776	-0.202774	0.760753
CMC4,MTCP1	11.6613	11.3585	-0.0379468	0.978763
SEPT4	0.273405	0.162662	-0.749161	1
PPP1R3D	1.46276	1.82105	0.316085	0.800869
TMEM221	0.162043	0.250864	0.630525	1
PQLC3	7.04807	4.71955	-0.578579	0.112663
FBN1	0.0136626	0.0131021	-0.0604303	1
LOC100288198	0.396967	0.334198	-0.248314	0.967343
PWWP2A	4.40681	5.15032	0.224928	0.678939
DLGAP1-AS1	1.75974	0.960486	-0.873529	0.197245
FAM227B	0.42584	0.261835	-0.701655	0.883229
SDHAP1	0.819869	1.06785	0.381246	0.642802
ANXA4	15.9848	12.8046	-0.320042	0.416068
LOC100302640	0.310035	0.0672524	-2.20477	1
GBAS	23.6776	22.332	-0.0844093	0.915911
SV2A	0.0342516	0.0555469	0.697534	1
DNAAF1	0.015374	0.0175669	0.192366	1
DHPS	36.8471	31.7975	-0.212639	0.910254
GNAI1	2.78182	2.86884	0.0444386	0.970533
TTC38	13.7101	23.7757	0.79425	0.00153868
CPNE7	34.2766	48.1356	0.489878	0.0897828
CLIP3	0.263734	0.166248	-0.665744	1
STAP2	13.948	11.3554	-0.296684	0.557638
LINC00263	10.7805	4.96596	-1.11827	0.00380811
TGFB3	1.43458	1.23654	-0.214321	0.818547
HOXB5	1.68429	2.89962	0.783721	0.460591
MNF1	22.8307	33.5104	0.553631	0.0653297
SBF2	1.68902	0.998741	-0.758002	0.0824065

ZC4H2	3.92698	3.06343	-0.358271	0.435859
EDARADD	0.461156	0.591276	0.358579	0.709571
TPPP	1.0677	0.817948	-0.38443	0.5266
PARD6G-AS1	0.190886	0.713099	1.90139	0.628907
KDM2A	8.42151	11.1792	0.408672	0.199011
LOC100505839	0.012412	0.016127	0.377742	1
MED15	16.0455	12.5386	-0.3558	0.336899
RAG2	0.0108363	0	#NAME?	1
GNAZ	3.12952	3.65275	0.22304	0.755955
LOC731424	0.00360664	0	#NAME?	1
QPCTL	13.3574	13.0064	-0.0384143	0.970994
ZNF556	1.20361	1.99456	0.728705	0.161007
MECP2	21.632	21.1846	-0.0301475	0.978818
BEGAIN	3.22241	4.96511	0.623685	0.159688
CLK2	12.482	15.1154	0.276162	0.529352
FDXACB1	1.25547	2.16879	0.78866	0.301221
CAP2	3.59876	4.60482	0.355644	0.413603
KANSL1L	2.49773	3.59088	0.523716	0.247212
FRG1B	6.26209	3.5329	-0.82579	0.0388971
PDIK1L	1.79371	1.83392	0.0319825	0.978818
SLC23A2	0.862939	1.02322	0.24578	0.727387
IAH1	33.8725	27.6307	-0.293842	0.50556
MAPKAPK5-AS1	7.48267	8.32466	0.153839	0.915911
FAM168A	1.125	0.831736	-0.435722	0.630399
VASN	1.81777	2.58176	0.50619	0.907039
FOXN3	2.06592	0.798412	-1.37158	0.00153868
SLC25A26	15.3349	16.2654	0.0849929	0.935766
WTIP	1.15061	1.34207	0.222066	0.879396
DHRS13	24.6824	18.0759	-0.449413	0.167611
FOXD1	69.7258	40.0495	-0.799907	0.00153868
RABL2A	1.27694	1.967	0.623307	0.250087
KIAA1109	0.661273	0.553011	-0.257937	0.639922
BCL6B	0.00410456	0	#NAME?	1
CCNJL	5.02409	6.277	0.321213	0.465287
ANO8	1.75294	1.94629	0.150947	0.968709
ZNF711	0.959823	0.671558	-0.515256	0.306888
RND2	0.423683	0.413271	-0.0358957	0.983243
FAM114A1	3.70758	2.7207	-0.446501	0.2463
ANXA6	37.8891	33.4203	-0.181056	0.722151
LOC284023	5.06919	6.5082	0.360504	0.425447
CHKA	17.976	21.7635	0.275839	0.513296
POLI	2.13609	1.33234	-0.681011	0.0290262
PLXNB1	3.61246	4.62818	0.357462	0.359202
KANK3	3.38446	2.76157	-0.293434	0.713886
AGPAT4-IT1	0.0084575	0	#NAME?	1
KLHL24	1.9645	0.757573	-1.3747	0.00153868
ATP1A1OS	2.84994	2.21217	-0.365465	0.944779
MMP1	0.140158	0.126446	-0.148527	1
ASAP1	10.261	10.0199	-0.0343019	0.971919

ITGB7	0.07275	0.0638906	-0.187345	1
ITIH5	0.00562498	0.00194927	-1.52892	1
STT3B	6.41101	6.341	-0.0158417	0.991167
LPP	1.45447	1.17417	-0.308854	0.452276
MYNN	1.83548	2.18348	0.250467	0.644608
SLC9A5	3.73932	5.06726	0.438432	0.270224
PDZD7	1.74507	1.1855	-0.557788	0.897319
DNAI1	0.018579	0.00361691	-2.36084	1
ZFP36L1	98.9802	84.3811	-0.23022	0.61923
SDC4P	0.0349211	0	#NAME?	1
AVP1	13.0647	19.4188	0.571776	0.0784883
ZNF432	0.944715	0.834147	-0.179577	0.872122
SLC11A1	0.122354	0.128246	0.067861	1
PEAR1	1.1039	0.624638	-0.821518	0.077173
CLMN	0.990311	0.399578	-1.30941	0.00153868
AMACR,C1QTNF:	1.83256	1.2532	-0.54825	0.215771
NUMBL	8.82984	14.3036	0.695918	0.0123712
ST6GALNAC6	76.7534	124.835	0.701716	0.00739414
CCSAP	1.33932	1.91809	0.518174	0.188018
RNF168	4.44558	5.20353	0.227118	0.640831
FBXO15	0.452358	0.110953	-2.02752	0.0429833
KCNA6	0.00257391	0.00229309	-0.166667	1
VSIG10L	1.08439	1.0021	-0.113863	0.936418
ENDOG	28.3499	50.0175	0.819092	0.47659
NEK5	0.197173	0.173151	-0.187424	1
KIAA1549L	0.943128	0.738141	-0.353557	0.443822
MTL5	1.39551	0.63859	-1.12783	0.0143403
KRT17	0.120163	0.35422	1.55965	1
USP30	1.84377	1.4747	-0.322245	0.586073
HOXA4	3.42433	3.01144	-0.18537	0.860285
PHYH	28.6588	24.7676	-0.210528	0.676146
SS18L1	2.29851	3.30303	0.52309	0.144765
CCDC65	0.0126697	0.0465688	1.87798	1
PRH2	0.0112315	0.0132027	0.233274	1
SERTAD3	12.0447	26.986	1.16381	0.00153868
HPS3	2.49339	1.5212	-0.7129	0.0738934
CCDC154	0.257754	0.138604	-0.895022	1
COL24A1	0.00678191	0.00819243	0.272599	1
CDK19	1.32993	0.701995	-0.92182	0.00739414
LOC100652768	1.02125	1.28017	0.325991	0.964616
RPL13AP20	1.83706	2.81237	0.614389	0.492305
AHSA2	3.75806	4.89213	0.380475	0.756518
CDCA7L	29.4485	22.2453	-0.404691	0.208318
DIAPH2	4.05476	2.40109	-0.755928	0.0117316
LOC100289509	0.373074	0.226606	-0.719276	0.795289
CNOT8	22.7091	20.8932	-0.120235	0.859038
ACADS	39.6615	36.319	-0.127015	0.855973
ZNF546	0.20413	0.258329	0.339718	1
JAM3	0.249572	0.567468	1.18508	0.0324264

TRIO	1.90961	2.14333	0.166575	0.797588
MBNL2	2.62921	1.70403	-0.625678	0.0605998
ZNF211	1.11073	1.08044	-0.0398871	0.978996
CHN2	0.337798	0.182188	-0.890734	1
SATB1	2.8002	2.95955	0.0798496	0.936311
ZNF79	3.09577	4.12258	0.41325	0.426631
ZNF236	0.588206	0.579793	-0.0207833	0.990201
NAPSA	0.0360931	0.0211016	-0.774369	1
ZBTB18	1.75359	2.11584	0.270917	0.65387
HLA-L	0.0103708	0.0182343	0.814133	1
PKM	1023.29	1244.96	0.282875	0.555472
SLC6A6	3.12104	6.88292	1.141	0.00153868
PPP5D1	0.11008	0.0763977	-0.52695	1
UAP1L1	27.7557	25.7996	-0.105433	0.879418
NOL3	15.4277	16.8081	0.123632	0.912532
MLH3	0.922537	1.38356	0.584708	0.111341
AGBL5	9.76781	9.05878	-0.108719	0.968157
CYP21A2	0.0661156	0.0984769	0.574795	1
LOC101059948	0.333922	0.12531	-1.41401	1
VEGFB	56.9074	52.4027	-0.118975	0.858752
RAPGEF5	0.710072	0.61396	-0.209821	0.802799
MYOF	12.433	9.09514	-0.45101	0.120157
DEDD2	30.2782	64.1679	1.08357	0.00153868
GRM2	0.0792627	0.025796	-1.61949	1
CDKN1B	7.04785	5.93572	-0.247761	0.64913
C16orf95	3.72924	2.95889	-0.333823	0.722089
BDH2	4.93896	3.06284	-0.689335	0.024868
CBX8	11.61	14.1879	0.289296	0.566374
ZP3	9.94299	7.53519	-0.400035	0.403413
ACER2	0.0704046	0.122158	0.795007	1
HELZ	1.56728	1.2301	-0.349487	0.369755
SRPX	9.56206	7.73473	-0.305971	0.535338
FAM129B	94.3679	158.284	0.746148	0.00380811
ECSCR	0.0199485	0.0149772	-0.41351	1
LYST	0.220179	0.13943	-0.659135	1
ELMO3	1.81986	3.64833	1.00341	0.0181648
NCKIPSD	17.0528	14.1671	-0.26746	0.547145
UGP2	11.7121	10.8092	-0.115745	0.872122
ZDHHHC8P1	0.545146	0.521708	-0.0634	0.977897
CEP85L	0.412772	0.409106	-0.0128698	0.994593
TRAPPC6A	24.4015	21.2693	-0.198197	0.791197
ELMSAN1	2.45139	2.78626	0.184725	0.767329
PACS1	15.3423	16.1256	0.0718324	0.933451
ZNF597	0.890618	1.08145	0.280089	0.783531
CACNB2	0.0712899	0.0639083	-0.157694	1
WDR54	70.3724	53.9253	-0.384048	0.254182
LOC284276	0.00661269	0.00625033	-0.0813058	1
LRRC37BP1	3.4327	3.58757	0.063663	0.948523
NOXA1	6.89483	2.48591	-1.47174	0.00153868

AQP11	0.819796	0.590431	-0.473497	0.599091
MAP3K8	0.856537	0.842784	-0.0233516	0.990377
ZNF665	0.0186828	0.0242456	0.376011	1
ACAD11,NPHP3	8.18116	5.04545	-0.697323	0.240047
LOC728743	0.566773	0.536899	-0.0781211	0.969826
ADAMTS6	0.0323895	0.00576658	-2.48974	1
PAN3	2.76645	3.35922	0.280091	0.571471
THAP2	0.439387	0.37911	-0.212876	0.943284
TMLHE	5.54175	3.81386	-0.539089	0.271127
SMG7-AS1	0.0358492	0.0758684	1.08156	1
XRR1	8.08816	6.18283	-0.387545	0.332523
RERE	2.95739	3.56175	0.268263	0.599981
ARNT	4.18065	2.81126	-0.572507	0.0685533
EPB41L5	1.25498	1.36228	0.118363	0.901751
MYADML	0.00937511	0	#NAME?	1
MYSM1	1.23305	1.40867	0.192105	0.769085
MSH5,SAPCD1	7.02489	5.26795	-0.415234	0.521457
GJC2	0.0467671	0.548682	3.5524	0.244431
TCTN2	1.60649	1.46442	-0.133585	0.905839
TNIP1	52.7362	42.7358	-0.303347	0.423117
ZNF519	0.274469	0.368985	0.426921	1
SLC27A3	5.42938	4.82741	-0.16954	0.840937
FN3K	27.8511	20.9359	-0.411758	0.267888
LATS1	1.68193	1.46638	-0.197857	0.831834
ENKUR	0.150202	0.313122	1.05982	1
LOC100132273	1.07614	0.905698	-0.248757	0.858227
CREBZF	4.16284	6.42582	0.626313	0.0285456
CBFA2T2	1.88757	1.68397	-0.164667	0.82034
ZBTB34	1.87438	1.98024	0.0792615	0.936242
CUL4B	5.66321	3.52955	-0.682136	0.0117316
LOC155060	3.07572	2.5139	-0.290995	0.642802
HNRNPU-AS1	4.4691	5.95124	0.413204	0.299594
LRP2BP	0.296092	0.315096	0.0897489	1
ZNF587	1.25029	1.28458	0.0390362	0.97562
ZNF607	1.23605	1.75141	0.502783	0.243499
DNAH3	0.00190009	0.00142967	-0.410381	1
OTUD3	1.25812	1.33939	0.0903098	0.933093
LY6G6C	0.067593	0.0212438	-1.66983	1
CATSPER2	0.57464	0.377349	-0.606758	0.489743
FOXO3	4.2042	2.55972	-0.715849	0.00897284
MST1R	3.77423	2.37186	-0.670162	0.0550104
LTA4H	79.373	71.2241	-0.156283	0.783261
PATL1	10.8951	11.6765	0.0999267	0.891828
FAM175A	5.50845	2.81202	-0.970039	0.111734
AKAP8L	21.0997	21.0643	-0.00242261	0.998382
ZNF77	2.10822	2.52065	0.257767	0.727856
DNM1P41	0.185408	0.250431	0.433713	1
DPF3	0.0948658	0.0737875	-0.362511	1
SPATA9	0.02272	0.0281576	0.309562	1

CDK14	0.00522901	0.00359774	-0.539445	1
TUBAL3	0.739151	1.13013	0.61255	0.385955
CARHSP1	20.253	17.1133	-0.243018	0.587518
ZNF648	0.018645	0.0164595	-0.179867	1
IRF2BP2	16.5071	10.7675	-0.616412	0.0204286
ATL1	0.429948	0.400563	-0.102132	0.953219
FLJ37453	2.3227	2.27801	-0.028028	0.994734
BTN3A3	0.742637	0.903044	0.282139	0.775623
ELF2	3.14137	2.8952	-0.117727	0.896977
STXBP3	5.39489	5.39314	-0.000467797	0.999234
STON2	0.00756056	0.00142058	-2.41202	1
HS3ST2	0.00925732	0	#NAME?	1
SLC35E1	12.2557	14.5948	0.252	0.550777
RFX3	0.47539	0.121946	-1.96286	0.00820276
TROVE2	4.88147	4.82922	-0.0155276	0.995521
NPTX1	0.00291928	0	#NAME?	1
C6orf201	0.00825497	0	#NAME?	1
ZFAT-AS1	0.0459494	0.147974	1.68723	1
DDR2	0.0687975	0.0809859	0.235316	1
CD109	0.977971	0.695207	-0.492349	0.207927
RGMB	5.74479	6.12032	0.0913535	0.911412
MRPS31P5	1.62136	1.30941	-0.308294	0.686415
PVRL3	0.997981	1.16592	0.224383	0.757708
ABHD10	10.4957	8.1629	-0.362649	0.318863
HDHD2	4.70116	4.6633	-0.0116658	0.993578
SLC6A4	0.0484957	0.100066	1.04502	1
MIR4461	4971.71	2664.04	-0.900128	0.890489
LINC00460	0.530826	0.187079	-1.5046	0.201718
LOC100131289	0.626716	0.670819	0.0981111	0.975484
ZNF12	3.2967	4.02044	0.286332	0.515991
SAMD10	2.84224	3.68734	0.375552	0.552211
CXADR	0.0353393	0.0599796	0.763199	1
PM20D2	8.56288	10.771	0.330989	0.356128
TUBGCP4	5.55353	5.35496	-0.0525303	0.981441
CAB39L	2.4681	2.04099	-0.27413	0.642898
NIPSNAP3A	4.54689	4.68905	0.0444166	0.972385
FBXO38	5.0971	4.71831	-0.111408	0.887978
PPP1R2	7.7702	8.24526	0.0856135	0.916694
NLGN2	18.0706	17.8425	-0.0183207	0.985768
GAB2	2.01898	1.23112	-0.713661	0.0370145
CBX2	5.7527	10.6845	0.893208	0.00153868
PLCG1	10.5438	11.8476	0.1682	0.762698
UQCRC2	71.7303	67.768	-0.0819785	0.917701
PRSS56	0.299098	0.0254576	-3.55445	1
RPL9	4188.29	4291.26	0.0350406	0.975484
FAM63A	4.05535	1.64914	-1.29811	0.00153868
DENND5B	0.436385	0.360134	-0.27707	0.707003
DNAJC28	0.229733	0.219525	-0.0655706	1
SPIN2B	1.9342	3.04053	0.652584	0.249215

RPS3A	3113.85	3275.56	0.0730437	0.937886
SLC9A7	4.26855	3.41452	-0.322061	0.376584
TINF2	13.1822	15.136	0.199394	0.724344
GCNT2	0.0059417	0.00183225	-1.69726	1
WDR45B	36.7085	45.0284	0.294722	0.431845
C9orf123	22.728	23.061	0.0209866	0.98206
KIAA1586	2.40614	2.60431	0.114177	0.902666
RSAD2	0.00750838	0.00805085	0.10064	1
SH3BGRL	14.4024	13.9667	-0.0443241	0.968709
ST13P4	0.122145	0.104942	-0.218995	1
IRF2BPL	7.42665	13.1123	0.820133	0.00478151
TMEM191B	1.34224	2.07141	0.625964	0.506735
OCEL1	21.883	16.4355	-0.412994	0.318494
ZNF430	1.00009	0.913616	-0.130478	0.900642
POM121L8P	0.253415	0.542603	1.09839	0.0204286
OLFML1	0.00986642	0.0139239	0.496965	1
NLRP6	0.0623259	0.0601979	-0.0501199	1
COMMD6	54.3832	56.5573	0.0565519	0.949526
GSTM3	12.7047	15.4999	0.286898	0.455231
SLC2A3	11.9204	6.35752	-0.906901	0.00153868
TPT1	3749.87	4223.12	0.171468	0.783531
MYC	218.727	255.001	0.22137	0.645315
ZNF766	3.65477	1.98432	-0.881135	0.00478151
RFX2	2.03672	1.97562	-0.0439459	0.975484
C7orf61	0.265277	0.455772	0.780814	0.62076
MLLT11	0.596254	0.523278	-0.188351	0.898747
PDDC1	12.5604	18.8958	0.589183	0.0280907
SUPT3H	3.18504	1.51932	-1.06788	0.00478151
RFPL2	0.23041	0.394336	0.775222	0.409204
ZDHC17	1.94097	1.93599	-0.00370505	0.997552
GPR173	0.003227	0	#NAME?	1
BAG3	22.1205	67.4703	1.60887	0.00153868
ARL15	1.06235	1.10339	0.0546845	0.971528
ABI2	6.28383	5.74009	-0.13057	0.840937
DLEU2L	0.0998088	0.368238	1.8834	1
ATOH7	0.141222	0.216653	0.617418	1
TMF1	2.55221	2.87756	0.173101	0.764456
PRDM8	15.953	35.7841	1.16549	0.00153868
BCL3	5.9627	5.39143	-0.145298	0.887789
PPP2R5B	13.923	12.3253	-0.175843	0.757708
FMNL2	6.39957	7.20948	0.171921	0.756068
PIAS3	5.42041	7.33069	0.435547	0.258195
AOX1	0.137143	0.0490997	-1.4819	1
SMS	165.064	149.493	-0.142952	0.818403
TGFBR1	5.25788	5.79579	0.140524	0.82034
TIGD1	1.44043	1.61759	0.167348	0.900642
TMEM106A	0.580043	0.556376	-0.0600988	0.97562
ZNF778	0.313251	0.491965	0.651235	0.327383
PRCD	0.0759028	0.0421625	-0.848193	1

MAP6D1	6.47891	13.1125	1.01712	0.00153868
CSRNP2	4.12261	6.09917	0.565056	0.0568637
CRTAP	29.2533	25.4856	-0.198913	0.688983
AURKC	0.859738	0.615159	-0.482937	0.672486
AKR1B1	0.00959353	0.0157361	0.713947	1
HBP1	4.23764	2.59926	-0.705161	0.58104
RAB33B	1.0875	0.81473	-0.416627	0.48699
FBXL3	4.72948	4.04216	-0.226554	0.677324
SNORA18	23.9555	46.1825	0.946986	0.538524
PCAT1	0.0569234	0.0161641	-1.81622	1
HOOK3	0.832912	1.08915	0.386969	0.317407
GCFC2	10.2462	11.6584	0.186283	0.836244
PFKFB3	14.6668	20.364	0.47347	0.110718
TTC9C	17.7119	17.6909	-0.00171343	0.999215
GAS1	0.424361	0.599973	0.499608	0.643053
DZIP1L	1.76246	2.29326	0.379804	0.47621
LOC100132247	1.74073	2.16392	0.313953	0.639952
OR2A1	0.0214092	0.0202187	-0.0825437	1
KCNRG,TRIM13	3.15857	2.96339	-0.0920223	0.925922
ZNF131	2.9116	3.35378	0.203977	0.758847
TMEM59L	0.072456	0.165767	1.19398	1
RPS18	11235.9	12473	0.150693	0.845932
FRMD4A	10.4679	8.20327	-0.351701	0.311521
AUH	6.31489	6.79731	0.106206	0.910891
XRN1	1.09537	0.778732	-0.492224	0.180418
ZNF619	0.539899	0.415906	-0.376433	0.633194
ZFYVE28	4.31974	3.6547	-0.241192	0.74725
ACOT6	0.0341984	0	#NAME?	1
RARRES1	1.21281	0.820702	-0.563428	0.525761
HLA-DMA	0.569184	0.241167	-1.23886	0.226046
RYBP	5.00259	4.52713	-0.144077	0.831834
CENPP	1.42756	2.03395	0.510729	0.857469
GRAMD1C	0.578313	0.252504	-1.19555	0.0198871
LINC00526	1.40422	1.34765	-0.0593219	0.975492
CIB2	18.5065	17.4285	-0.0865818	0.922586
IL17RD	1.11558	0.788964	-0.499756	0.204028
LCOR	1.21865	0.849051	-0.521366	0.175696
PPP1R13L	2.27108	1.31193	-0.79169	0.943168
ARHGAP12	4.45332	3.78782	-0.233515	0.637594
TLN1	12.1968	12.159	-0.00448213	0.997773
CROCCP2	15.4873	26.2403	0.760697	0.00659556
OR51B4	0.0758016	0.0233055	-1.70156	1
HKR1	5.89985	7.52126	0.350296	0.365235
TRAPPC8	1.65557	1.71069	0.0472456	0.967226
PROS1	9.83354	7.47933	-0.394801	0.235628
MRPL17	38.3877	44.7538	0.221363	0.629991
TCERG1	9.31352	11.1082	0.254224	0.548266
MT1IP	0.00871717	0	#NAME?	1
EFNA3	29.2604	48.4625	0.727918	0.00659556

IFITM10	0.547842	0.463122	-0.242368	0.98206
GNA11	6.13145	10.2079	0.735383	0.0471668
EEPD1	1.44158	1.50407	0.0612219	0.964843
NIPBL	1.26575	1.24071	-0.0288327	0.97918
HSD17B8	4.96594	3.68078	-0.432054	0.497279
FGFR3	3.88862	6.4761	0.735866	0.0192959
ATP1B1	7.10769	6.06546	-0.228763	0.787792
KIAA0895L	4.35241	3.81626	-0.189655	0.880754
RNF208	42.27	53.3133	0.334862	0.389383
DDX60L	0.241762	0.23765	-0.0247512	1
MLX	23.8335	24.0533	0.0132421	0.993923
CSTF3-AS1	0.0173554	0.00621386	-1.48182	1
ZNF35	1.82893	3.56279	0.962012	0.00274688
PAPD4	4.83756	4.38804	-0.140704	0.844936
RAB3D	9.39758	8.81048	-0.0930687	0.905839
ZNF83	2.62065	1.85707	-0.496891	0.237712
RAP1GAP	2.99413	2.84385	-0.0742898	0.948774
FLJ10038	0.723833	0.823702	0.186466	0.939948
C10orf55	0.161132	0.161833	0.00625935	1
TEKT4	0.388346	0.482953	0.314541	0.880754
LOC100129250	12.855	12.1249	-0.0843613	0.981441
SATL1	0.400027	0.410909	0.0387182	0.994734
VSTM1	0.0219667	0.0259638	0.241181	1
MAG1	0.696711	0.341146	-1.03017	0.0192959
ENDOD1	0.233215	0.440204	0.916511	0.107265
CECR1	0.0120305	0	#NAME?	1
GPER	0.150243	0.145097	-0.0502749	1
ACTA2	2.07524	2.2765	0.133535	0.960032
ZNF354A	5.04052	4.77392	-0.0783972	0.936256
PTPRK	1.06549	0.76575	-0.476568	0.289501
GGA3	9.01596	10.8086	0.261633	0.824472
SEPT3	6.32192	4.93025	-0.358701	0.417492
SLC25A42	2.94779	2.08563	-0.499151	0.291935
ZMYM5	3.66928	3.04705	-0.268083	0.737368
C2orf16	0.0961779	0.0659028	-0.545364	1
NR0B2	0.0209544	0	#NAME?	1
HSP90AA1	263.503	675.37	1.35786	0.00153868
LOC100131726	0.0377726	0.0557885	0.562628	1
TRIM45	0.341813	0.310288	-0.1396	1
STK31	0.0465474	0.0276321	-0.752354	1
ZNF845	0.957008	0.940831	-0.0245954	0.986181
LOC100130357	0.169171	0.276675	0.70971	1
GPSM2	1.14858	0.819392	-0.487225	0.818547
MAT1A	0.00411687	0.00307333	-0.421748	1
LOC388152,LOC6	10.6179	9.14787	-0.214997	0.691843
LOC401320	0.48592	0.327636	-0.568626	0.411581
HMBX1	0.679244	0.379168	-0.841091	0.133573
CIC	7.89125	11.3192	0.520445	0.0792007
NHEJ1	6.76175	8.48609	0.327704	0.471107

FRMD6	14.7634	18.3121	0.310773	0.39786
AP3M2	3.96488	6.17026	0.638054	0.0374759
RTN1	0.0218175	0.020221	-0.109631	1
MIR4315-1,PLEKHA7	1.58892	1.17747	-0.432349	0.702993
DLGAP4	19.0483	17.98	-0.0832702	0.913875
NDRG3	4.73518	5.8422	0.303093	0.500059
SGK1	2.153	3.20972	0.576094	0.166833
LINC00630	0.190277	0.189494	-0.0059488	1
HIST1H4J	1.15999	0.892136	-0.378771	0.921904
PCDHB19P	0.0276725	0.0293216	0.083511	1
NUDT16L1	23.5108	33.6689	0.518095	0.0937156
PANK4	8.36529	13.1008	0.647172	0.0308509
BAIAP2-AS1	2.41098	2.65641	0.139857	0.8709
CACNA2D1	0.119603	0.0640744	-0.900428	1
DOPEY1	0.273045	0.203436	-0.424561	1
CRIP1	0.630567	0.414015	-0.606965	0.813026
SAMD9L	0.0559873	0.0118536	-2.23978	1
AP4M1	19.1409	23.1121	0.271989	0.951421
PHF13	4.54126	6.24199	0.458912	0.20647
JHDM1D	1.30361	0.519816	-1.32644	0.00153868
SPATS2	7.64653	7.903	0.0475945	0.961459
STK3	4.79092	5.20876	0.120637	0.878705
DENND4C	2.0139	1.83994	-0.130337	0.863898
DDTL	1.61408	3.09313	0.938354	0.755384
MYB	0.730672	1.62679	1.15473	0.00274688
NES	4.7112	5.77895	0.294713	0.495723
GNMT	0.189405	0.693145	1.87168	0.839406
LACTB	5.95557	5.85358	-0.0249217	0.981659
TRMT11	6.21607	8.0212	0.367815	0.379552
RPSAP52	1.5809	0.593528	-1.41336	0.905903
CREB1	1.43406	1.45157	0.0175102	0.987173
PCIF1	8.63867	8.56013	-0.0131764	0.992304
USP45	0.989091	1.36924	0.469205	0.24679
TM2D3	15.9143	19.2353	0.273431	0.553492
ZNF280D	2.38967	1.73352	-0.46311	0.385393
ZNF223	0.842603	0.667806	-0.335425	0.700551
CST6	0.0424983	0.120752	1.50657	1
SMC2	3.88261	3.80094	-0.030669	0.9771
PRPF39	5.28068	7.66796	0.538119	0.602107
ZBTB41	0.370316	0.366993	-0.0130034	0.994116
STRADB	14.922	15.2811	0.0343036	0.974348
MUC12	0.247625	0.4409	0.832298	0.0351856
PLK1S1	4.74405	1.87355	-1.34035	0.00153868
TMEM44	12.3171	8.43401	-0.546367	0.116756
GPRC5A	7.113	3.00057	-1.24522	0.00153868
LOC100129550	0.901947	0.608687	-0.567342	0.217777
LRRC27	2.93263	2.26101	-0.375225	0.619359
C1QTNF9	0.0156628	0.0328198	1.06722	1
TBCK	1.23881	0.658607	-0.911469	0.66669

NCOR1	1.23577	1.36931	0.148038	0.862984
ARHGAP19,SLIT1	1.67874	1.84658	0.137483	0.867118
PNPLA3	0.732866	0.520975	-0.492335	0.538495
C15orf52	0.0497745	0.117992	1.24521	1
VMP1	50.1739	60.3182	0.265654	0.52531
FRS3	3.24828	2.99018	-0.119444	0.917149
ZNF774	0.461477	0.387313	-0.252759	0.878705
ASB8	4.30726	4.49212	0.0606237	0.955413
ACAP3	5.4016	6.64926	0.299806	0.553492
UBL3	3.74843	3.14156	-0.254805	0.626866
ABI3	0.0118894	0	#NAME?	1
KDM4C	2.79571	2.00871	-0.476946	0.215259
MARCH3	0.292219	0.421375	0.528055	0.517827
PIM2	14.4006	26.8143	0.896873	0.00153868
HEATR4	0.024791	0.037994	0.615954	1
MAPK7	6.61192	10.3148	0.64158	0.361033
IFT74	2.87494	2.19041	-0.392333	0.836759
MIB2	7.83861	9.07004	0.210512	0.740167
FANCL	6.56283	8.50058	0.373243	0.484602
CITED2	6.02698	6.25319	0.0531568	0.966197
C18orf25	1.52963	1.70625	0.157644	0.848653
FBXO21	3.59394	4.0645	0.177513	0.780395
ZBTB12	4.41944	3.30357	-0.419838	0.502454
ANKMY2	4.9601	5.25076	0.0821586	0.93402
EEF1A1	5465.43	5246.9	-0.0588704	0.954252
CABIN1	7.52008	8.22992	0.130131	0.843536
MB21D2	1.5796	1.92708	0.286859	0.671663
MYH9	50.5748	55.4133	0.131813	0.842721
RAB8B	4.23945	3.78188	-0.164773	0.786155
BAMBI	5.03979	6.67464	0.405328	0.384554
SHANK2	0.515294	0.284192	-0.858531	0.0667647
SLC26A8	0.00945381	0.00692292	-0.449515	1
FUT1	2.26775	4.16332	0.876468	0.00478151
ATP8B2	0.697939	0.421218	-0.728533	0.141333
PPP2R3A	0.867193	0.934222	0.107412	0.93144
UBE2H	9.11732	8.69734	-0.0680356	0.935829
NAP1L1	137.515	140.913	0.0352078	0.972375
ZNF16	10.0312	5.36475	-0.902909	0.00153868
POM121C	8.52145	9.99839	0.230597	0.686765
BTBD2	65.3841	43.015	-0.6041	0.0259174
SNX25	3.95204	3.54516	-0.156747	0.83928
TMEM55A	6.34981	4.60942	-0.462127	0.208122
FAM35DP	0.173999	0.156051	-0.157062	1
SNX30	2.08156	1.8961	-0.134628	0.862353
MAP4K5	7.48606	6.87541	-0.122759	0.854216
ZNF567	2.29726	2.56994	0.161825	0.844936
TAGLN3	0.0146971	0	#NAME?	1
GIT2	5.96429	5.98795	0.0057105	0.995521
ID2	2.00821	2.04865	0.0287614	0.986782

TMEM65	3.96297	3.23192	-0.294192	0.524977
SLC27A1	4.75912	3.27119	-0.540882	0.175512
CUL5	1.81613	2.25553	0.312604	0.494451
NBPF15,NBPF16	4.92635	6.28416	0.351201	0.360567
GUSBP9,SMA5	0.500293	0.446574	-0.163873	0.945416
KDM5C	17.083	14.4833	-0.238176	0.581347
ALS2CL	5.12281	3.23621	-0.662629	0.0434002
ST3GAL3	2.89622	1.62542	-0.833363	0.0434002
RFPL4A	0.218281	0.0273795	-2.99502	1
GORAB	1.63084	1.61276	-0.0160813	0.992304
ASH1L-AS1	1.56579	2.62757	0.746843	0.66768
TAGLN2	58.7535	89.2321	0.602888	0.0259174
DTX4	1.17259	2.01633	0.782039	0.0259174
TBC1D5	2.89048	1.2409	-1.21992	0.00153868
LOC100506668	3.64802	6.01813	0.7222	0.839812
JMJD7,JMJD7-PL	15.0293	13.9892	-0.103459	0.91207
PLA2G3	0.00838984	0.0110005	0.390851	1
FAM220A	5.4147	4.15212	-0.383031	0.40471
CCDC135	0.0790107	0.0360932	-1.13032	1
ZNF138	2.64834	1.76469	-0.585675	0.127354
UNC119	59.8202	56.4573	-0.0834728	0.915223
PDIA4	50.7308	75.6036	0.575593	0.0285456
PARP16	6.20974	4.3867	-0.5014	0.19024
TBX10	0.0152279	0	#NAME?	1
RAB11FIP5	16.1326	15.6561	-0.0432511	0.964628
TMPRSS13	0.0044451	0.0120846	1.44288	1
UHRF2	4.47492	4.91565	0.135522	0.854102
CDC42BPG	0.0682616	0.073748	0.11153	1
PRSS16	1.56461	0.975631	-0.681395	0.207889
CDIP1	0.00619395	0.0354168	2.5155	1
GOLGA6L10	0.0442141	0.045936	0.0551184	1
MID2	1.08717	0.935149	-0.217309	0.757708
CCDC176	0.428852	0.306325	-0.485417	0.733012
FAH	24.2743	24.7922	0.0304568	0.977229
ZNF28	1.20181	1.24956	0.05622	0.964843
CRYBG3	0.221034	0.225447	0.028519	1
HLA-A	954.146	1084.27	0.184441	0.740566
FAM219B	7.43969	9.23162	0.311342	0.448806
LOC150381	2.8225	4.13741	0.551755	0.243937
LOC100506990	3.37215	2.42507	-0.47564	0.437468
C7orf29	13.7422	20.1187	0.549921	0.303477
CP	1.33075	0.668156	-0.993985	0.0763878
PPIP5K2	2.05171	1.69267	-0.277522	0.582102
ARHGAP22	29.8906	28.0036	-0.0940817	0.904056
KCNJ5	0.00996762	0.00370032	-1.4296	1
KLHL7	9.61421	8.97866	-0.0986681	0.94326
TMOD2	0.666092	0.709946	0.0919869	0.933523
TTC9	0.530624	0.29133	-0.865033	0.100423
HACE1	0.714206	0.595697	-0.261762	0.76269

C3orf38	3.91718	4.41154	0.171466	0.916725
SOCS1	2.19792	4.51588	1.03887	0.092709
SEC1P	0.0655844	0.0223625	-1.55227	1
BAZ2B	0.79778	0.360036	-1.14785	0.00153868
SAG	0.0199815	0.00738542	-1.43591	1
GDF9	0.103132	0.0381331	-1.43538	1
LCORL	2.60856	2.45717	-0.0862565	0.966307
PIP5K1P1	0.0117787	0	#NAME?	1
FBXL20	1.8976	1.01462	-0.903232	0.00153868
LENG8	7.87959	11.9746	0.603789	0.135473
EIF4E3	2.58451	1.84614	-0.485383	0.154835
BTG1,LOC256021	13.0416	7.15161	-0.866785	0.00153868
BACE2	15.509	16.6923	0.106081	0.890489
HSF2	5.27733	5.17705	-0.0276781	0.979931
DENND6B	3.00494	2.1472	-0.484879	0.435859
RPL13	784.917	924.886	0.236735	0.676198
BRSK2	8.24539	15.6057	0.920414	0.00153868
ECI2	26.5915	24.6976	-0.106591	0.884488
KCNH3	0.631126	0.35486	-0.830677	0.272576
GYLTL1B	0.0118225	0.0125772	0.0892668	1
FXR1	4.79785	5.01082	0.0626573	0.943284
TMSB10	4339	5330.31	0.296857	0.500006
CCDC104	45.9092	39.2344	-0.226666	0.619728
HYI	17.8908	18.1263	0.0188725	0.992304
ZNF331	0.315494	0.190291	-0.729406	1
CSF2	0.0634804	0.171494	1.43377	1
NBPF9	0.859773	1.30058	0.597129	0.224366
SYNDIG1L	0.0147808	0.0114831	-0.364208	1
SLC12A5	0.00281627	0.00420264	0.577511	1
LOC100505718	3.36362	1.70801	-0.977699	0.00478151
LOC728431	0.705622	0.242156	-1.54296	0.0966711
FOXA1	1.06798	1.35939	0.34807	0.63388
EQTN	0.0561665	0.0644249	0.197907	1
TWSG1	6.84099	6.70854	-0.0282069	0.977962
MSTO2P	0.235789	0.346275	0.554423	1
HOXD3	0.807238	1.14306	0.501838	0.529855
TRIM17	0.0130907	0.0174654	0.415951	1
LOC731223	0.400975	0.135328	-1.56706	0.379394
BBX	1.88054	1.44874	-0.376347	0.35231
C9orf41	0.76234	1.28863	0.757335	0.150849
NPEPPS	13.3999	15.9168	0.248329	0.559735
FZD5	2.05388	2.47447	0.268763	0.61305
CHRNA2	0.00541799	0.00487288	-0.152982	1
C15orf39	5.58882	10.1443	0.860059	0.00153868
NARF	61.1011	54.3436	-0.169087	0.764196
BLVRA	38.303	54.5332	0.509678	0.0854415
ARMCX3	7.00116	6.71369	-0.0604875	0.951891
CEP89	2.2264	2.14858	-0.0513264	0.969635
KRT79	0.567031	0.7918	0.481708	0.622185

RHOT1	4.83013	4.56749	-0.0806611	0.93285
TUBG2	11.5334	14.7024	0.35023	0.408508
PRKAR1A	18.7789	20.2646	0.109849	0.880754
ZNF624	0.2741	0.241654	-0.181761	1
SAMD11	1.6121	0.441501	-1.86846	0.824756
NEK6	26.0646	20.1284	-0.372861	0.271127
ACTG1	2579.26	2899.42	0.168809	0.796068
JRKL	1.27882	1.43806	0.169307	0.850357
RAPGEFL1	2.4413	2.9115	0.254111	0.684382
USP53	0.789501	0.717281	-0.138402	0.88839
CENPI	0.4918	0.411062	-0.258716	0.840937
UROS	19.2122	27.4618	0.515402	0.101019
MRPL42	10.6417	13.4348	0.336247	0.346023
EEF1G	3634.86	3977.48	0.129958	0.869972
SIAH1	8.92473	7.22335	-0.305141	0.824372
MLXIP	4.12491	6.06202	0.555435	0.0745439
NUDT3,RPS10,RF	4996.89	5710.11	0.192489	0.754536
KCTD19	0.00458652	0	#NAME?	1
PMEL	0.729905	0.37378	-0.965521	0.154363
APOOL	1.86464	2.01108	0.109067	0.898731
MTR	1.48982	1.26685	-0.233893	0.66836
PLIN1	0.0848949	0.0733515	-0.210852	1
IGSF22	0.0115934	0.0151357	0.384654	1
CARD8	2.52185	2.1794	-0.210551	0.922304
GGA2	7.86749	8.95028	0.18603	0.720426
ST7-OT4	0.0775359	0.00677455	-3.51667	1
TCFL5	6.48971	5.75582	-0.173133	0.906423
HADH	34.3098	31.8053	-0.10935	0.87752
HSD17B7P2	0.521977	0.60392	0.210372	0.908615
IMPDH2	260.466	231.362	-0.170943	0.756358
ZNF502	1.28961	1.18148	-0.126333	0.907653
FKBP14	2.02297	3.19597	0.659779	0.0294837
IER5L	21.6005	73.4316	1.76533	0.00153868
ORAI3	13.6085	4.98571	-1.44864	0.00153868
HUS1	4.25399	4.58682	0.108678	0.907121
CPPED1	1.16936	1.60291	0.454966	0.274969
CTAGE4	0.193479	0.173013	-0.161296	1
MSANTD3,MSAN'	67.3598	50.5296	-0.41476	0.178116
EPHX2	4.53198	3.08646	-0.554187	0.175976
CCDC106	0.658256	0.801868	0.284716	0.866944
MEAF6	9.99036	11.6576	0.222661	0.635374
CRIM1	7.41238	7.05504	-0.0712815	0.934505
GALNT4,POC1B,f	4.70613	3.26796	-0.526148	0.125383
TMEM79	2.69395	3.50691	0.380479	0.525574
SLC17A7	0.339495	0.137617	-1.30273	1
ZNF616	0.996311	0.928029	-0.102427	0.940466
TBC1D17	9.48607	8.80886	-0.106855	0.904905
VAV1	0.0803953	0.0504542	-0.672138	1
RNF213	0.938123	0.708246	-0.405527	0.51683

AKD1	0.539359	0.449465	-0.263039	0.826133
RNF24	2.50442	2.20249	-0.185347	0.810769
CTIF	8.78743	6.91639	-0.345422	0.357812
TARSL2	2.5053	3.26442	0.381843	0.381587
LTN1	0.931259	0.87574	-0.0886786	0.934251
HSD17B3	0.362538	0.143276	-1.33933	1
TRERF1	2.24026	2.11298	-0.0843897	0.929491
SHB	8.34534	9.96802	0.256336	0.554874
SECISBP2L	1.71624	1.7358	0.0163507	0.990104
ZNF26	3.88891	3.79544	-0.0350996	0.975492
CSGALNACT1	0.0808673	0.206711	1.35399	1
DHX32	11.2916	11.033	-0.033433	0.987173
TBC1D4	4.01189	5.86745	0.548451	0.0650492
SOGA2	3.14969	3.58264	0.185814	0.77012
GATSL3	2.94252	4.55237	0.629566	0.234947
PRKCDBP	20.7393	11.258	-0.881415	0.0156935
ALOX15B	0.00663039	0.00493107	-0.427192	1
HOGA1	0.0761578	0.0314402	-1.27638	1
HDAC10	10.2348	10.2113	-0.00332083	0.997773
CCDC163P	0.808235	0.813765	0.00983716	0.996035
UBA2	19.7367	16.5658	-0.25267	0.551877
SLC6A3	0.00634446	0.00418053	-0.601811	1
MXRA7	41.4361	46.9797	0.181151	0.727623
RGS3	7.28961	8.88098	0.284877	0.626866
SSBP2	1.3452	0.885726	-0.602888	0.727839
TBCE	4.1111	3.87003	-0.0871801	0.975454
SCLT1	1.68533	1.64998	-0.0305855	0.981441
IL31RA	0.0219632	0.00392119	-2.48572	1
C3AR1	0.246778	0.0700617	-1.81652	1
FBN3	0.00283261	0	#NAME?	1
PAM	9.15392	7.00173	-0.386679	0.265533
SMYD2	17.5634	20.6375	0.232692	0.625139
ZNF584	5.08022	10.2912	1.01844	0.00153868
SSTR5	0.0143731	0	#NAME?	1
RPS6	4185.1	4596.09	0.135143	0.856147
RPS11	5250.45	5710.46	0.121165	0.87748
PKLR	0.304818	0.756727	1.31183	0.12245
PRICKLE4	1.58929	1.24277	-0.354824	0.720534
ASXL1	9.74409	10.728	0.138787	0.908098
RUFY1	9.13462	12.8733	0.494962	0.12245
ADD3	2.48559	1.25346	-0.987668	0.00153868
ZMYM6	1.46983	1.45147	-0.0181353	0.989716
HLA-H	11.3778	22.1111	0.958551	0.00153868
WFDC2	0.0412122	0	#NAME?	1
GATSL2	0.0281809	0.0735349	1.38371	1
PCYT2	11.2564	11.7806	0.0656732	0.945399
ZNF681	0.363533	0.351241	-0.0496213	1
HRNR	0.00218051	0.00143428	-0.604345	1
YAF2	2.17656	2.8129	0.370007	0.382564

INPP5J	2.32049	1.58458	-0.550331	0.328047
COG7	4.87486	4.96614	0.0267646	0.981441
EBPL	109.516	114.522	0.0644841	0.93855
SEC31A	5.25412	6.58756	0.326295	0.409021
SNX14	9.37051	9.267	-0.0160261	0.988088
ZNF675	1.62173	1.32756	-0.288758	0.698259
NMRK1	8.31186	3.59328	-1.20987	0.00153868
SEC61G	295.675	370.28	0.324603	0.362399
ASTE1	1.66746	2.12137	0.34734	0.905839
FANCF	3.48926	4.31364	0.305986	0.525673
HDAC3	56.4471	63.5503	0.171001	0.751293
DOC2GP	0.108209	0	#NAME?	1
RPGRIP1L	0.284995	0.411981	0.531642	0.370768
LFNG	2.44886	6.15048	1.32859	0.00153868
FAM149B1	1.62693	1.08135	-0.589324	0.214637
SPG7	18.1986	22.4504	0.302911	0.455427
OSM	0.0101292	0	#NAME?	1
CD163L1	0.14316	0.0813752	-0.814969	1
NPC2	208.136	203.424	-0.0330369	0.982866
BLCAP	29.3913	39.0274	0.409102	0.196981
EAF2	1.24176	1.04001	-0.255793	0.839812
FAM214A	1.3604	0.61917	-1.13562	0.00572929
CPXM2	0.0114972	0.00374965	-1.61645	1
FTX	0.493962	0.509833	0.0456244	0.990183
ENGASE	3.64403	6.36577	0.804798	0.00380811
GPN1	23.4119	35.1778	0.587425	0.299594
DUOX1	0.0213401	0.039736	0.896881	1
BBS2	10.5623	6.41138	-0.720214	0.00897284
KLLN	0.22492	0.15831	-0.506665	1
TP53INP2	5.48747	4.36346	-0.330669	0.450976
KIAA1432	1.175	1.3134	0.160639	0.842721
CCDC107	11.5027	10.3495	-0.152412	0.923193
LOC400027	5.50634	5.28222	-0.0599494	0.957719
SEPT9	34.605	43.2031	0.320152	0.385735
LRRC56	1.95551	1.66644	-0.230775	0.824372
DCLK2	0.509333	0.56526	0.150306	0.917701
TREM2	0.0288184	0.0538364	0.901589	1
LRRC58	3.70408	4.46095	0.268236	0.518305
LOC441454	0.262089	0.379596	0.534406	0.694097
ELP4	10.288	6.75625	-0.606669	0.0719976
OSBPL10	5.63529	3.76082	-0.583443	0.0588451
ZNF474	7.13428	3.97082	-0.845331	0.00820276
ZNF367	2.79864	3.4421	0.298563	0.553492
RPS25	4071.3	4363.22	0.0999035	0.900267
KIF15	1.75022	1.38904	-0.333447	0.513663
ZNF101	2.6506	3.05142	0.203162	0.81727
ZBTB14	1.39816	1.40391	0.00592127	0.996244
EARS2	8.30985	11.905	0.518675	0.0699076
LOC100128822	6.1808	5.46816	-0.176737	0.859937

IFT88	0.991612	0.690131	-0.522906	0.36998
MTHFD2L	0.748464	0.850546	0.184455	0.883608
DIRC3	0.00390216	0	#NAME?	1
RDH16	0.131011	0.0949569	-0.464342	1
CCDC109B	30.8285	25.1067	-0.296194	0.471107
CHD2	5.97818	4.4455	-0.42736	0.298627
NLRC3	0.149327	0.201095	0.429401	1
CCDC88A	1.05769	1.08365	0.0349713	0.976134
KCNQ1	9.28288	5.12786	-0.856215	0.0705331
RXFP4	0.0394507	0.0364035	-0.115974	1
INHA	0.459809	0.153347	-1.58424	0.229368
HECTD4	0.653925	0.713467	0.125722	0.88493
C16orf46	0.33488	0.55057	0.717281	0.407744
CDK5R1	2.06554	3.30717	0.679079	0.0529824
TPI1	875.422	1165.03	0.412322	0.258496
NAV2	4.79162	2.15454	-1.15314	0.00153868
ORC1	3.079	3.7595	0.28808	0.591871
IFT81	0.951721	1.03217	0.117068	0.930021
HOXD-AS1	1.77762	1.13484	-0.647457	0.122719
AGAP6	3.29718	5.01909	0.606195	0.086788
LDLRAD2	0.0162982	0.00881872	-0.886073	1
CDC5L	4.60379	4.79639	0.0591243	0.948368
NFS1	9.98036	11.4037	0.192344	0.905305
CDCA3	19.8568	29.0295	0.547888	0.0741309
CNN3	58.839	73.8513	0.327851	0.362925
CHRFAM7A	0.0313262	0.0495155	0.660512	1
RALGAPA1	0.962605	0.817376	-0.235944	0.72151
OSGIN1	15.7367	13.8906	-0.18003	0.774876
CLSTN3	6.94201	5.26347	-0.39934	0.284835
ITGB2-AS1	0.013947	0	#NAME?	1
DBNDD1	30.5036	36.6082	0.263189	0.525673
COX18	3.55923	3.07996	-0.208656	0.72151
ZNF674	0.428175	0.230998	-0.890318	0.111341
ZNF691	6.98621	8.87083	0.344559	0.459126
CEP95	5.80281	5.08189	-0.191386	0.751881
ZNF701	0.134852	0.127737	-0.078203	1
DIP2A	3.11861	3.32114	0.0907744	0.938232
ZNF322	2.79085	3.373	0.273328	0.564876
HK1	62.3879	45.1142	-0.467685	0.100739
SRSF4	36.9303	63.431	0.78038	0.00153868
PSD4	1.54973	1.41855	-0.127604	0.902251
ZNF433	1.24878	0.837268	-0.576752	0.307111
ZNF248	1.13059	2.26918	1.0051	0.00153868
C16orf87	2.58926	2.43761	-0.0870768	0.948523
ARHGAP42	0.202699	0.214829	0.0838513	1
VEZF1	5.83315	5.47397	-0.091688	0.910813
FAM210B	18.8717	16.6935	-0.176936	0.741465
PDE4DIP	0.509011	0.721338	0.502979	0.343885
C19orf33	265.384	250.802	-0.0815322	0.950837

CDC42EP5	22.2311	17.4913	-0.345942	0.600187
SPIN1	7.5984	8.39532	0.143891	0.814685
C15orf27	0.0210381	0	#NAME?	1
B3GNT8	0.0325684	0.0456366	0.48672	1
MKL2	0.822015	0.948883	0.207066	0.76719
OTUD7B	1.9661	2.65089	0.431142	0.235343
HMGCL	34.6158	15.4817	-1.16087	0.00153868
TLE2	28.7138	24.3421	-0.238291	0.603415
IL11	9.98458	16.0439	0.68425	0.0123712
UACA	0.85845	0.370464	-1.2124	0.00153868
IFT172	1.93933	0.944665	-1.03768	0.00153868
BARD1	0.186312	0.176703	-0.0763911	1
DLGAP5	5.96728	6.23886	0.0642086	0.947681
IMMP2L	10.235	6.23704	-0.714579	0.0294837
APOBEC3H	0.04495	0.0928065	1.04591	1
SEC14L2	7.35857	6.54628	-0.168751	0.80005
CCDC9	5.45559	6.92444	0.343962	0.502136
TSSK6	1.11842	0.923957	-0.275566	0.879418
DHRS11	10.0197	7.05829	-0.505447	0.190507
ZNF652	0.801145	0.903829	0.173987	0.809647
ZBTB24	3.06811	3.05612	-0.00565001	0.996765
HBG2	0.712801	1.23848	0.796993	0.462969
ARID4A	0.500637	0.419387	-0.255484	0.758625
CMIP	7.63113	7.0516	-0.113946	0.881238
FAM134A	23.2389	23.2791	0.00249278	0.998382
TP53BP2	9.02636	8.75118	-0.044667	0.963619
HTRA4	0.00925715	0.0155848	0.7515	1
FAM212B	0.857728	0.990974	0.208327	0.92085
FAM210A	5.75174	7.12709	0.309315	0.426631
BICD1	0.2881	0.273297	-0.0760981	1
GSTA4	10.681	7.69046	-0.473901	0.216201
TRIM32	7.08787	7.88869	0.154433	0.824372
LRRC3-AS1	0.0309566	0.038505	0.314796	1
MDM1	2.10135	2.37655	0.177551	0.83199
C6orf170	0.24604	0.170471	-0.529369	1
RUNX2	1.52619	1.21989	-0.32318	0.739297
RIN1	43.0874	35.2527	-0.289534	0.465071
ZNF414	9.40379	6.85398	-0.4563	0.418727
LOC100130899	4.17149	5.23984	0.32896	0.452276
CLDN7	0.14835	0.162631	0.132595	1
FASN	31.1659	59.5506	0.934148	0.00153868
KAT5	9.41024	8.16669	-0.20448	0.907121
CALHM3	0.0140452	0	#NAME?	1
FAM110D	0.68451	1.08386	0.663042	0.56396
UNG	25.8941	43.5501	0.750052	0.00478151
MMAB	5.11846	5.31083	0.0532264	0.958829
FBXO3	5.66886	3.97709	-0.511345	0.160303
PER3	0.184888	0.228548	0.305843	1
SLCO4A1	26.0161	38.3813	0.560998	0.0464744

BPHL	16.1677	14.1557	-0.191727	0.745392
PIK3C2A	2.39104	2.84349	0.250027	0.586001
SNX21	8.51485	8.24697	-0.046117	0.970533
ZSWIM6	1.89302	1.09331	-0.791993	0.0304296
ARHGAP5	2.09706	1.88439	-0.154276	0.806525
N6AMT1	2.55741	3.59359	0.490742	0.41883
B3GALTL	1.20571	1.5717	0.382451	0.452338
LOC389765	0.539472	0.513327	-0.0716693	0.974777
LOC646278	0.280939	0.253557	-0.147946	1
CLEC4GP1	0.0239085	0	#NAME?	1
RCCD1	8.27637	8.97151	0.116353	0.880754
FCGRT	33.3316	27.4476	-0.280209	0.511853
NPEPL1,STX16	28.9364	26.5962	-0.121664	0.891476
PRRC1	5.87087	6.60509	0.170005	0.768903
SNX3	112.464	154.59	0.458986	0.12463
MCM9	0.917762	1.09641	0.256599	0.873742
MIAT	0.0355482	0.0368934	0.0535871	1
ZNF503	7.41928	11.1023	0.581505	0.111557
RAB40C	13.8358	15.897	0.200346	0.722665
CHRNB1	27.7249	14.7329	-0.912144	0.00153868
SDK2	0.00151055	0	#NAME?	1
CSF1R	0.00380683	0.00626036	0.717658	1
RPL26	5087.15	5738.33	0.173774	0.781103
XK	0.467378	0.508554	0.121812	0.929645
SPAG5	13.5049	14.9081	0.142614	0.815365
FOXH1	8.55701	11.3891	0.41247	0.628907
RAD52	2.72005	2.02064	-0.428818	0.390823
STK39	4.95907	4.41842	-0.166538	0.806525
RPS3	2713.97	2805.51	0.0478585	0.967343
H1FNT	0.0326557	0	#NAME?	1
SIGLEC15	0.0219183	0	#NAME?	1
PXN-AS1	2.32462	2.34398	0.0119684	0.999234
CINP	22.7064	27.2387	0.262557	0.589092
HPS4	5.28408	3.38276	-0.643449	0.0318822
WIPF2	3.83291	3.19716	-0.261647	0.59009
C7orf63	0.668592	0.936942	0.486834	0.396533
ST13	81.3055	94.5809	0.218196	0.64889
RBBP6	6.26319	6.9604	0.152272	0.906934
TUBD1	1.3883	2.26849	0.708416	0.117075
RCOR3	3.23622	3.0882	-0.0675466	0.954981
KCTD12	1.62278	2.22318	0.454163	0.233177
GAS5	1266.01	1102.4	-0.199638	0.698819
ATF7IP2	1.28876	1.45006	0.17012	0.851768
C14orf180	0.0256677	0.0177393	-0.533005	1
HPRT1	63.3886	66.4621	0.0683084	0.937886
TFDP2	2.85792	1.7672	-0.693502	0.00970147
HIBADH	11.8299	8.35546	-0.501652	0.140298
PSTK	2.57456	1.88702	-0.448219	0.489743
SCP2	29.5488	27.6374	-0.0964773	0.899607

INTS8	12.7125	10.8488	-0.228718	0.709707
RNF19A	6.07896	4.76945	-0.350003	0.345838
HAUS4	34.7777	23.6343	-0.557277	0.0451232
CHEK2	10.1441	8.37751	-0.276046	0.5818
POLG	12.2911	21.6944	0.819714	0.0198871
SPATA7	3.64044	1.83517	-0.9882	0.00739414
COA3	45.5634	79.9245	0.810761	0.00153868
PRPF40B	0.635329	0.332144	-0.935693	0.875956
ARL4D	0.0150776	0.0381676	1.33994	1
EML6	0.405849	0.355815	-0.189815	0.858729
BRK1	74.278	76.3154	0.0390397	0.968703
GPX4	320.743	329.811	0.0402209	0.967343
CTNNA1	24.6673	27.8972	0.177522	0.73707
NUCKS1	14.8024	11.9167	-0.312843	0.392178
BCKDK	105.673	108.21	0.0342262	0.974073
ZNF420	0.895963	1.47513	0.719328	0.105057
LOC100506548	22.8514	19.9802	-0.193715	0.704317
MYLK-AS1	0.152029	0.29871	0.974401	1
LOC100507489	0.0929722	0.0211559	-2.13574	1
FLCN	14.2726	7.21956	-0.98326	0.00153868
FAM108B1	3.85819	5.30985	0.460746	0.207927
ALDH8A1	0.125372	0.152244	0.280168	1
LOC100130275	1.80539	1.34161	-0.428344	0.869722
PUS7	7.53012	12.4857	0.729538	0.00153868
CHCHD6	58.3562	76.8937	0.397978	0.227684
ZNF833P	0.459644	0.464501	0.0151651	0.994279
SYT1	0.00654883	0.00338522	-0.951986	1
IL34	0.0107813	0	#NAME?	1
FHL2	326.635	211.489	-0.627097	0.0169799
TLX2	0.0142171	0.013057	-0.1228	1
WDR26	6.57195	7.21892	0.135461	0.831535
EIF1AD	9.40461	19.2153	1.03081	0.384547
LOC730227	0.0341047	0.023325	-0.548093	1
CLDND2	0.280683	0.414529	0.562534	0.809131
ZNF175	1.31348	1.18977	-0.142703	0.883608
RAB11FIP4	3.30823	2.31293	-0.516341	0.210317
RNF146	5.35702	3.68452	-0.539951	0.135269
RGS12	1.62153	2.13648	0.397878	0.448169
SMCR7	19.7202	8.81704	-1.16131	0.00153868
MSLN	0.0274721	0	#NAME?	1
ZNF18	1.68664	1.06011	-0.66993	0.146193
OXR1	8.05788	4.91038	-0.714565	0.0187307
JARID2	1.78992	1.68911	-0.0836283	0.939068
FGFR10P	5.83209	5.5495	-0.0716556	0.945399
C21orf2	3.98012	5.09165	0.355319	0.547145
CD27-AS1	3.58	1.72574	-1.05274	0.00572929
LINC00324	0.692194	0.36443	-0.925533	0.239441
PTCHD4	0.129734	0.121907	-0.0897737	1
FAM131C	21.8659	15.9115	-0.458614	0.197402

AGSK1,LOC7278-	0.20678	0.176811	-0.225884	1
C22orf39	11.0377	11.6282	0.0751948	0.938622
CEP78	3.2747	5.8561	0.838578	0.00572929
FAM178A	2.98469	3.21759	0.108399	0.963794
NANP	2.23669	2.75188	0.299051	0.559324
MMP11	7.01028	4.90146	-0.516262	0.196665
DENND1A	11.6423	9.15125	-0.347331	0.415392
ZNF836	1.23575	0.538313	-1.19887	0.00478151
SRRM2	33.053	44.4992	0.428998	0.166442
EPB41L1	3.89385	3.32492	-0.227876	0.66979
METTL20	0.379361	0.0969632	-1.96806	0.0243026
KTN1-AS1	1.17842	0.713397	-0.72408	0.255196
CHID1	20.1253	27.0258	0.425328	0.163844
RANBP17	0.429652	0.283476	-0.599942	0.368309
MIR600HG	0.747108	1.15211	0.624893	0.147146
DZIP1	0.00443296	0.00114291	-1.95556	1
MMP24	4.38643	5.51602	0.330581	0.463667
LENG9	13.3543	11.0881	-0.26829	0.814132
AKR7A2P1	0.0637938	0.0109716	-2.53964	1
MARCH8	0.682718	0.441268	-0.629634	0.393864
ARHGAP23	1.92731	0.770357	-1.32299	0.00153868
KATNAL1	0.281272	0.257698	-0.126286	1
MAP2K5	10.9563	3.82554	-1.51803	0.00153868
CRYBB2P1	17.3877	21.2689	0.290681	0.480434
TRAF3IP2	3.76301	2.78384	-0.434811	0.266518
RPS8	5033.28	5485.58	0.124146	0.869513
ZNF181	1.73645	1.44164	-0.268427	0.691381
MIF	2967.83	3887.81	0.389551	0.266833
MTFR1L	19.3732	21.4696	0.148236	0.814274
LGALS8	6.39964	4.10469	-0.640719	0.258646
AHCYL2	2.04053	2.13334	0.0641714	0.952184
TNNT1	130.498	128.579	-0.0213718	0.98206
BTA1F1	2.85762	2.64595	-0.111027	0.882065
VPS53	2.70523	3.91602	0.533638	0.0621442
CEBPA-AS1	2.71291	3.83426	0.499105	0.338257
KAT6B	1.00739	1.06469	0.0798134	0.940466
PLD2	9.19453	7.48432	-0.296905	0.494801
DLL3	0.0179594	0.0165328	-0.119407	1
SRGAP3	0.0177446	0.00217314	-3.02953	1
PEX3	7.24671	6.53049	-0.150133	0.821083
FRAS1	0.758415	0.432219	-0.811225	0.0163491
CPOX	11.0292	16.16	0.551101	0.0504359
LOC100130231	0.0029714	0.00152662	-0.960802	1
SEMA6C	2.07142	1.45319	-0.511398	0.347688
KLHL17	14.3588	23.8496	0.732023	0.00820276
C20orf112	1.10151	1.23159	0.161035	0.861141
TRIM54	0.00956731	0	#NAME?	1
OBFC1	2.07161	1.42709	-0.537671	0.139083
PRDM1	0.167803	0.120271	-0.480471	1

H6PD	2.99408	1.62756	-0.879402	0.00380811
PKIB	0.0697528	0.0287595	-1.27822	1
SP100	14.4752	13.7722	-0.071823	0.945673
MTERFD3	2.84857	4.25122	0.577641	0.148853
KCNAB2	29.899	27.2412	-0.134307	0.845153
PRKD3	1.86789	2.15886	0.20886	0.729504
PARP6	5.84626	5.63484	-0.0531403	0.960032
FBXL5	7.14211	6.32213	-0.175941	0.758199
DEAF1	33.5971	37.6285	0.163489	0.824372
ZNF589	3.87575	6.08352	0.650429	0.0374759
ANKRD13A	24.7306	20.6899	-0.257367	0.536266
ATF1	5.37065	6.5529	0.287039	0.540497
HAGHL	73.5998	76.376	0.0534173	0.954143
ZSCAN30	1.30172	0.927923	-0.488342	0.542067
ZNF277	9.82375	4.79769	-1.03393	0.00153868
LOC100271836	0.0628446	0.0635006	0.0149815	1
LOC100287177	21.0735	11.737	-0.844369	0.32346
SIX4	1.64378	2.77056	0.753157	0.0117316
PLSCR3,TMEM25	224.906	217.019	-0.0514982	0.970421
MLL4	4.96056	6.88746	0.47347	0.117237
C15orf62	0.237981	0.252197	0.0837026	1
NAA16	2.21251	4.47464	1.01608	0.00153868
MON2	0.903133	1.05621	0.225887	0.698989
ARL17A	0.237548	0.260555	0.133367	1
POLH	1.70341	2.03285	0.255082	0.883799
EFNA4	24.8141	29.4049	0.244898	0.940466
GCC2	0.632472	0.600854	-0.0739879	0.953219
KIF20A	5.18496	6.60254	0.348687	0.736305
RGPD5,RGPD6	0.00209682	0	#NAME?	1
RPL39	7785.42	8145.62	0.0652497	0.945208
ZFYVE1	5.94278	4.51515	-0.396365	0.369051
TPI1P2	0.148814	0.197358	0.407307	1
GPLD1	0.291586	0.406054	0.47775	0.494507
LGALS3	45.9799	49.05	0.0932513	0.906423
EHBP1	2.1106	2.18612	0.0507202	0.964843
USP6	0.157943	0.145213	-0.121227	1
ENPP1	0.621545	0.590948	-0.0728272	0.954469
ERGIC1	73.2438	77.0231	0.0725842	0.93102
RNF166	14.128	12.6609	-0.158176	0.836427
ZC3H12B	0.221652	0.308738	0.478088	1
PHLDA3	80.5437	75.3902	-0.0953936	0.901063
FCHO2	1.53467	1.30644	-0.23229	0.722833
NOP9	2.02171	4.94734	1.29107	0.00153868
TSC22D1	13.2922	10.9761	-0.276209	0.503643
SMC5	2.74841	3.48352	0.341949	0.372956
PDCD6IP	14.4443	12.9348	-0.159247	0.781034
NUAK1	0.9649	0.580741	-0.732484	0.0933464
TMEM219	91.8527	75.5871	-0.281183	0.478004
WDR59	11.1452	10.317	-0.111393	0.876392

HFE2	0.0126577	0.00648562	-0.964703	1
CEP44	1.53526	0.951475	-0.690243	0.253241
GNB4	0.0679471	0.0985972	0.537133	1
CCDC61	6.45694	7.16363	0.14984	0.876338
GAA	49.9549	39.9477	-0.322511	0.378455
SUDS3	5.37758	6.63364	0.302842	0.447327
LINC00520	0.210589	0.152811	-0.462688	1
TULP3	7.5897	6.52441	-0.218195	0.689582
FRYL	0.985907	0.963102	-0.0337632	0.975928
TET2	0.480731	0.402213	-0.257271	0.724492
LAMC1	8.56618	6.8227	-0.328309	0.350838
TRIM5	1.56636	1.10285	-0.506181	0.338578
PRKCA	0.793415	0.913123	0.202734	0.783706
SNORA21	34.1261	34.8235	0.0291858	0.997552
SEC23A	3.4983	3.98325	0.187294	0.764196
ESCO1	1.67185	1.81687	0.120007	0.89301
PREP	12.3224	14.0844	0.192813	0.714933
ZKSCAN3	0.888574	1.00271	0.174346	0.860412
SLFN13	0.00184224	0	#NAME?	1
GALT	10.9454	10.9871	0.00549527	0.996765
CTBS	3.33587	1.51832	-1.13559	0.00153868
EIF3E	659.56	630.689	-0.0645741	0.944295
SUGP2	6.12275	9.60087	0.648985	0.0215444
RPL27	4474.08	4949.57	0.145712	0.825017
HNRNPH2,RPL36	1479.01	1645.4	0.153812	0.813026
ZNF461	0.304918	0.365084	0.259806	1
PHF7	1.23072	0.673984	-0.868715	0.111049
MGC16142	0.957427	1.6192	0.758047	0.217192
MYO6	1.69364	1.26205	-0.424357	0.249215
KATNBL1	6.10703	5.93379	-0.0415177	0.969826
INPP4A	1.9224	2.04983	0.092592	0.920178
NOX1	0.0326499	0.107365	1.71737	1
ZNF506	1.79349	1.37729	-0.38094	0.464031
SERTAD2	4.95575	4.16173	-0.251922	0.600595
IL17RB	2.29421	2.62189	0.192607	0.825017
JUN	127.881	173.805	0.442672	0.15255
CLPX	9.75601	9.78893	0.0048606	0.996094
RPL30	5939.11	6341.43	0.0945618	0.911326
COPS2	14.9202	15.2977	0.0360442	0.971663
MGC16275	2.17998	2.04392	-0.0929796	0.940689
LOC100506100	5.41133	7.32013	0.435886	0.938622
LOC100506844	13.3957	7.12467	-0.910873	0.0130226
MCOLN2	5.3975	7.2628	0.428236	0.239661
GSTT1	44.0688	39.0347	-0.175003	0.764196
ADARB1	3.1851	4.89769	0.620761	0.0663805
ESYT2	6.2987	5.83961	-0.109181	0.880533
LOC440600	0.078323	0.0699748	-0.1626	1
ATXN1	0.244294	0.0570562	-2.09817	1
MCPH1	2.64406	3.27036	0.306694	0.558912

SSPO	0.0173165	0.00879881	-0.976768	1
PHIP	1.74083	1.61113	-0.111698	0.880754
TRPC6	0.00364291	0	#NAME?	1
ATP8B4	0.0237447	0.0176735	-0.426021	1
APPL2	4.12259	3.31919	-0.31272	0.525673
MAP7	4.70263	3.12625	-0.589036	0.0588451
CLEC18C	0.00937671	0	#NAME?	1
RPL15	1090.62	1204.36	0.143116	0.835405
TMEM198B	1.97888	0.670887	-1.56054	0.524814
RIT1	4.64779	3.60906	-0.36492	0.356885
TADA1	6.03465	6.55591	0.119525	0.881798
MAB21L3	0.0940276	0.100712	0.0990864	1
FOXJ3	7.17214	7.38038	0.0412929	0.96645
KIAA2026	0.492404	0.527129	0.0983117	0.939651
FAM83B	0.0023547	0.00267657	0.184842	1
ENC1	12.5112	15.5765	0.316154	0.397264
NRF1	2.94461	3.62336	0.299252	0.670177
WDR37	5.052	4.82697	-0.0657372	0.945857
TNFSF4	0.0476358	0.030218	-0.65664	1
PSD	0.893764	0.541803	-0.722125	0.849035
ZNF180	2.08137	2.25531	0.115791	0.904905
EIF3L	238.312	242.267	0.0237468	0.981179
LPCAT4	25.1933	25.2735	0.00458344	0.997314
NBAS	6.13314	2.85381	-1.10374	0.00153868
ASB4	0.0039663	0	#NAME?	1
C1orf52	14.6557	13.2594	-0.144449	0.806275
NPRL2	15.8523	21.2494	0.422729	0.633758
TUBA4A	67.6744	174.542	1.36689	0.00153868
TMEM81	2.03654	4.23542	1.05638	0.0123712
NAMPT	17.306	20.5728	0.249466	0.557974
FBXL13	0.0995381	0.0641473	-0.633862	1
LOC100133669	0.029874	0.0495613	0.730326	1
LOC100505666	0.765529	0.870306	0.185066	0.978818
CCDC71	13.6177	13.8424	0.0236017	0.98218
GTF2H5	3.30264	3.83367	0.215105	0.670405
DTD2	4.32627	5.40023	0.319896	0.480434
GGTLC1	0.152843	0.0615859	-1.31138	1
FGD3	3.28464	1.80639	-0.862625	0.0238313
LENG1	10.1465	8.54118	-0.248476	0.89785
REV3L	0.511515	0.590734	0.207732	0.780964
ITFG2	3.13802	3.79515	0.274304	0.655692
CPNE1,RBM12	77.8321	77.4427	-0.00723557	0.995209
OSBPL9	12.397	10.5844	-0.228049	0.847391
ZNF124	2.16384	2.31643	0.0983091	0.937188
SLC38A6	3.42913	2.96701	-0.208836	0.810757
HP1BP3	22.73	21.2001	-0.10053	0.885805
PPL	0.0151471	0.00955437	-0.664805	1
TYW3	8.92258	15.2566	0.773903	0.0176564
SYNGAP1	2.97084	2.68214	-0.147485	0.869722

AGO4	1.51079	0.929023	-0.701515	0.0355697
LINS	1.792	2.10871	0.234794	0.759742
DIP2C	1.86779	1.46531	-0.350131	0.436831
ANKRA2	2.39626	1.08957	-1.13702	0.00572929
MINK1	16.4497	16.8861	0.0377773	0.970681
TLL1	2.71686	1.22351	-1.15092	0.00739414
ACADVL	121.918	133.922	0.135476	0.852271
CRBN	5.62107	3.8284	-0.554104	0.0919662
ITIH2	0.0206101	0.0121736	-0.759595	1
MAGI3	0.30466	0.357167	0.229398	1
D2HGDH	8.13388	6.25022	-0.380037	0.405874
WDR52	0.187979	0.162814	-0.207353	1
ATP5S	5.12867	4.40018	-0.221022	0.772699
IGLON5	0.0293407	0.035917	0.29176	1
TRIM65	13.8527	15.7572	0.185848	0.722814
PPIAL4G	0.164681	0.186266	0.177688	1
LPIN2	3.86565	2.32927	-0.730832	0.00897284
EMB	1.79747	2.22445	0.307482	0.559429
YPEL2	0.993347	0.633536	-0.648871	0.15255
C11orf65	0.463896	0.181274	-1.35563	0.202477
FBXO2	1.84045	1.56168	-0.236962	0.972504
ADHFE1	0.311886	0.331372	0.0874316	1
ALDH5A1	3.24327	2.87482	-0.173977	0.796502
LOC646999	0.0299299	0.0478905	0.678149	1
ZNF329	2.70435	3.22802	0.25537	0.648214
ZNF84	3.30136	3.36868	0.0291201	0.97664
TESK2	1.94454	1.17195	-0.730518	0.653588
SLC25A23	29.0969	29.3123	0.0106367	0.992917
ZNF853	0.0985784	0.141563	0.522104	1
UTRN	0.832587	0.42808	-0.95972	0.00153868
CISH	2.11349	4.37411	1.04936	0.00274688
NBPF16	3.96374	5.58349	0.494306	0.136653
METTL21D	4.08285	4.69004	0.200021	0.789544
NUBPL	1.49164	1.11803	-0.415937	0.474408
APOC1	9.89742	9.22484	-0.101529	0.946021
ARHGEF39	5.94451	5.79011	-0.0379673	0.97562
FHDC1	0.31419	0.419513	0.417081	0.571471
GPATCH2L	1.18966	1.23923	0.058895	0.970185
DSTN	53.7198	72.0394	0.423332	0.167611
PTGR2	2.06942	1.19852	-0.787968	0.0533774
TAF9B	7.12562	5.30811	-0.424818	0.224437
NFRKB	4.30494	5.61794	0.384049	0.30896
KIF13A	1.24563	0.900193	-0.46857	0.474825
STX11	0.166699	0.175031	0.0703723	1
RWDD2A	3.15876	2.90686	-0.119896	0.971789
RCOR2	10.8147	7.89055	-0.454802	0.211615
RABEP2	19.2458	36.7983	0.935101	0.00153868
FAM45B	0.0446871	0.0111719	-1.99998	1
ERRFI1	54.494	28.3856	-0.940938	0.00153868

SCARB2	19.0466	13.1668	-0.53263	0.0603207
PMS2P1	9.60517	7.89852	-0.282229	0.917022
ANKLE1	0.52345	0.798503	0.609246	0.38334
RPL13A	8854.39	9565.31	0.111418	0.913239
SIK1	10.6743	9.81364	-0.121281	0.864982
PTPRJ	3.29422	2.92253	-0.172721	0.81727
TSKU	13.5843	19.0973	0.491427	0.103353
USP24	2.7611	3.65574	0.404922	0.21252
LOC100130581	0.549181	0.179538	-1.61299	0.0308509
ZNF784	7.1962	6.15636	-0.225159	0.755093
LRGUK	0.159942	0.065554	-1.2868	1
SPDYE1	0.0817123	0.104178	0.350422	1
FTO	1.71955	1.65953	-0.0512583	0.967859
DLL1	5.28923	6.21186	0.231969	0.691332
RPS6KB1	2.48795	5.28791	1.08774	0.00153868
GANC	0.447634	0.590904	0.400603	0.593645
LAMB2	11.7034	7.89376	-0.56814	0.0429833
PUM2	10.6639	11.9765	0.167476	0.761614
ZNF780A	1.32505	1.55642	0.232178	0.808452
SYNRG	2.67615	2.3095	-0.21258	0.703087
HUS1B	0.658605	0.648304	-0.0227414	0.934331
ACOT8	15.9031	14.2569	-0.157647	0.913342
MAPK14	8.29651	9.76811	0.235575	0.604499
LYSMD3	1.59281	1.66896	0.0673679	0.952184
TMEM64	5.27078	8.34592	0.663054	0.0143403
STYX	2.91215	3.07785	0.0798383	0.93305
BAIAP2L1	20.3874	12.3462	-0.723617	0.188839
PIDD	11.2772	12.2022	0.113739	0.887789
FAAH2	0.630484	0.261976	-1.26702	0.0663805
DDX11L2	0.53216	0.375733	-0.502154	0.914693
HSPB6	0.0608122	0	#NAME?	1
ORM1	0.0282401	0	#NAME?	1
SLC29A4	11.1621	11.6069	0.0563729	0.956177
PAK4	28.2185	31.5894	0.162798	0.787471
PFKM	45.5131	36.5551	-0.316209	0.452259
SMARCD3	53.6224	64.211	0.259985	0.531494
MYO1D	2.69828	2.30184	-0.229254	0.704729
DCAF8	12.0856	12.869	0.0906097	0.914693
BZW1	60.9486	72.5041	0.250468	0.559351
CPNE3	19.3472	22.0402	0.188013	0.707936
SNX10	9.80139	6.67439	-0.55435	0.0756592
KIAA0907	6.52805	10.864	0.734835	0.0123712
CD46	7.91	7.92921	0.00349828	0.997552
ARID5A	8.31235	8.31418	0.000316218	0.999404
GNG13	0.0217292	0.0199235	-0.125166	1
SEZ6L2	22.9904	16.3159	-0.494754	0.108015
AFF4	2.75617	2.45594	-0.166387	0.783527
TMEM167B	6.66314	6.5976	-0.0142611	0.991167
CAMKMT	2.64534	2.46729	-0.100527	0.937188

SPTSSA	10.528	14.0915	0.420597	0.202575
PIP4K2B	5.88444	8.99092	0.611563	0.0181648
ZER1	27.2486	17.7816	-0.615798	0.0243026
PRCP	30.0506	24.1637	-0.314549	0.385878
TNFRSF10D	27.7764	37.9599	0.450617	0.13436
LRP5L	4.3765	5.12284	0.227168	0.767294
WDPCP	0.388976	0.305673	-0.347691	0.978016
DEPDC1B	5.825	7.14323	0.294318	0.522918
ZNF692	17.2561	24.3148	0.494722	0.121447
PIK3CD	2.07902	1.21891	-0.770315	0.751767
PIAS1	3.21889	3.50791	0.124048	0.891476
ZFYVE16	1.24888	1.3552	0.117879	0.886468
KLHL26	4.89337	4.66037	-0.0703852	0.952184
VPS36	3.94494	4.46881	0.17989	0.762574
ABCB10	2.89222	4.36353	0.593318	0.0691625
TMEM144	6.47547	1.62619	-1.99349	0.00153868
AKR7A2	32.3945	28.5679	-0.181354	0.730307
RASGRP2	0.579675	0.447447	-0.373528	0.762566
LOC494141	0.00861564	0.00496535	-0.795063	1
DFFA	15.4351	20.2791	0.39378	0.284182
ACPL2	3.24706	4.30606	0.407235	0.318863
SRP72	16.9761	15.6369	-0.118555	0.858729
PARVA	3.40901	4.594	0.430399	0.175048
SCNN1D	1.28906	0.626757	-1.04034	0.0756592
DCAF17	1.66336	1.68456	0.0182677	0.994068
ARHGAP30	0.0654399	0.0532471	-0.297466	1
ZNF773	0.877351	0.70901	-0.307348	0.751958
ORC4	3.80543	4.2033	0.14346	0.839471
YOD1	1.6019	1.28409	-0.319033	0.524958
MSH4	0.479088	0.242857	-0.980185	0.0884345
CCDC22	16.3401	14.6191	-0.160558	0.80614
BDH1	18.7904	20.8582	0.150618	0.798514
ZNF518A	1.09076	0.894234	-0.286613	0.586866
KANK2	1.9172	2.55555	0.414637	0.363569
SLC37A4	21.1184	19.3991	-0.122507	0.867492
COX20	3.7379	3.98823	0.0935205	0.963969
ACBD4	8.02771	4.50691	-0.832849	0.0143403
MDM4	3.42384	3.52765	0.0430892	0.966307
C11orf35	1.62661	0.658095	-1.3055	0.255101
BRPF3	3.65446	3.78604	0.0510286	0.962865
AIF1L	34.828	50.7797	0.544004	0.0434002
KIF3A	1.60885	2.45999	0.612618	0.0529824
SAT2	91.6806	91.9744	0.00461589	0.997814
CMPK2	0.277411	0.333593	0.266061	1
ZNF581	131.38	78.3559	-0.745634	0.00380811
ASCC3	3.2598	4.57097	0.487715	0.136495
CHORDC1	7.75532	34.7437	2.16349	0.00153868
GRK5	5.111	6.90693	0.434439	0.271981
PPP1R12B	0.327235	0.46696	0.512974	0.454341

SH3GL1P1	0.288237	0.62055	1.10629	0.635435
HERC2P9	2.98418	4.62054	0.630728	0.070307
SLC36A4	3.14791	3.71257	0.238022	0.708212
SNHG6	887.558	1005.88	0.180549	0.733086
ZNF75A	1.05965	1.2939	0.28814	0.765218
DICER1-AS1	2.48339	0.983522	-1.33628	0.0399087
METTL15	3.01095	2.07905	-0.534294	0.130936
ZNF558	3.94323	3.28554	-0.263249	0.628907
NANOS3	2.42686	3.5422	0.545557	0.498357
LANCL1	4.18337	3.3985	-0.299767	0.49848
ZNF330	22.3809	24.2775	0.117352	0.864177
MTMR4	5.92018	4.96199	-0.254725	0.569842
SETD4	7.48521	9.1931	0.296507	0.632632
E2F5	7.30444	6.95434	-0.0708601	0.984517
LINC00094	2.42498	2.63999	0.122563	0.948523
PARM1	1.19772	1.02627	-0.22288	0.773016
HTT	3.54694	3.62145	0.0299923	0.976725
LDLRAD3	2.75153	2.69125	-0.0319581	0.980228
PRR25	0.0233099	0.0814376	1.80475	1
SFXN3	30.8874	18.5238	-0.737638	0.00572929
MFGE8	10.8772	10.9111	0.00449261	0.997552
NT5DC1	9.11994	5.24671	-0.797612	0.00274688
RTKN2	0.155033	0.0677611	-1.19405	1
CAPZA2	39.2886	49.3744	0.329653	0.343762
SIRT1	3.27315	3.19322	-0.0356691	0.975492
ZNF528	0.0349089	0.0192797	-0.856511	1
RPL7L1	16.3689	19.2867	0.236647	0.644644
ZZZ3	2.5569	2.05591	-0.314617	0.505982
WDR33	10.0725	9.68794	-0.0561594	0.952967
TMEM107	8.84802	4.85726	-0.865212	0.00820276
PEX11A	2.5326	2.57259	0.0226022	0.985373
C12orf65	8.05286	10.5718	0.39265	0.325614
ZNF85	1.28298	0.603602	-1.08784	0.0338188
LPIN3	2.84956	2.41872	-0.236493	0.782739
SOX9	0.00651664	0.0151003	1.21238	1
FAM115A	7.52477	3.41261	-1.14077	0.00153868
BAD	66.5845	72.8032	0.128814	0.896288
NAAA	8.74912	9.13669	0.0625332	0.953159
EEF1B2	2024.09	2307.05	0.188774	0.739148
MR1	10.9021	13.1521	0.270692	0.538495
ZCCHC11	1.75906	1.51655	-0.214009	0.732699
BRD9	11.4912	18.8438	0.713561	0.00380811
LOC100862671	3.97419	5.29448	0.413829	0.35293
ASPDH	0.0563237	0.0643635	0.1925	1
RPL32	1251.33	1310	0.0661144	0.944204
MED26	5.03944	6.14271	0.285612	0.592657
TSPYL1	18.9505	23.3261	0.299707	0.41602
TRPT1	58.4935	28.3252	-1.04619	0.00153868
CASC5	0.361507	0.492938	0.447383	0.421146

TMPRSS6	0.0584493	0.102007	0.803406	1
ZBTB11	1.5626	2.81047	0.846862	0.0198871
ZHX3	1.84428	1.53643	-0.263482	0.592657
ASAP2	3.11174	1.95467	-0.670799	0.0355697
TUBGCP6	4.842	5.87398	0.278737	0.540664
MAP3K6	2.06176	2.34407	0.185144	0.835405
FCHSD2	3.55543	3.39344	-0.0672756	0.945887
MIB1	1.81581	1.17851	-0.623653	0.0407657
CYP21A2	0.0494976	0.0271714	-0.865271	1
SLC16A2	3.90411	4.37379	0.163892	0.808631
PION	0.846547	0.556903	-0.604163	0.298809
ZBTB49	1.41327	1.92071	0.442605	0.414655
MXD4	25.5557	25.6778	0.00687326	0.994593
RPLP1	9857.99	11248.2	0.19033	0.748812
GRTP1	9.22017	6.57385	-0.488053	0.256757
DLL4	0.910354	1.32286	0.539166	0.38334
USP48	7.17001	7.50469	0.0658171	0.945399
GLTSCR2	666.09	629.284	-0.0820053	0.916694
ZNF260	2.3031	2.4812	0.107465	0.89785
PBX3	18.5498	14.8216	-0.323704	0.38144
SFXN5	0.66575	1.50727	1.17889	0.00478151
SLK	3.66476	3.44217	-0.0904037	0.912629
CLEC11A	200.203	215.744	0.107859	0.879418
MKLN1	5.1637	4.26572	-0.275616	0.476106
IDS	10.5479	11.1947	0.0858601	0.952163
ICOSLG	2.36785	5.66568	1.25867	0.00153868
LOC100130894	0.119537	0.160746	0.427328	1
SELM	341.495	473.136	0.470391	0.112565
EFTUD1	13.3116	9.33963	-0.511251	0.0695357
EPC1	4.78433	3.36688	-0.506901	0.136653
KIFC2	13.1053	15.2549	0.219124	0.765759
CDK10	29.9905	36.2391	0.273044	0.66669
DUSP1	68.2364	45.3746	-0.588659	0.0318822
HERC2P2	1.38798	2.33126	0.748126	0.0163491
NDRG4	4.09027	2.6186	-0.643399	0.0657182
RPL34	989.121	1054.57	0.0924355	0.905545
THNSL1	10.4721	9.92033	-0.0780871	0.926868
C19orf81	1.24244	1.01389	-0.293272	0.894574
MAP4K3	2.48967	2.50619	0.00954109	0.994116
CD27	0.190195	0.129787	-0.551333	1
YPEL1	2.49231	2.04043	-0.288609	0.8146
LDB3	0.0316759	0.00866384	-1.87031	1
TAF4B	1.55205	1.22845	-0.337326	0.521734
FAM211B	8.8646	6.12079	-0.534339	0.675661
B4GALNT4	10.9561	14.0651	0.36039	0.359885
KRBOX4	3.69184	2.35054	-0.651347	0.0827369
ZC3H11A	13.9682	15.4705	0.147372	0.798886
LOC100129794	1.22463	0.399934	-1.61451	0.200495
MBTD1	2.18734	1.43798	-0.605133	0.0799092

ZNF740	5.58428	7.22914	0.372454	0.327486
KLF3	2.75825	2.29874	-0.262906	0.604499
PTH2	0.187397	0.0877067	-1.09534	1
ZNF335	5.20443	7.05876	0.439676	0.205132
RPS27	10216.1	10920.9	0.0962412	0.905839
IQSEC1	5.41645	7.31752	0.434007	0.199218
RPL34-AS1	0.00433682	0	#NAME?	1
LASP1	47.5073	47.2559	-0.00765567	0.994279
KIAA1755	1.85285	0.877933	-1.07757	0.00153868
GJC3	0.0792596	0	#NAME?	1
TFAP2C	0.360439	0.375419	0.0587499	0.978818
ECH1	106.692	99.1498	-0.105771	0.879055
POLK	1.30315	1.1537	-0.175725	0.927002
SNX13	2.38734	1.97042	-0.276902	0.569518
MRPS9	26.0956	24.2255	-0.107276	0.880754
DSCR3	12.8234	10.2014	-0.33001	0.36961
IGBP1	58.9759	39.9724	-0.561121	0.0464744
ATG14	2.762	2.39908	-0.203232	0.745431
TRIM46	0.0637061	0.0384333	-0.729074	1
KCTD6	4.93735	6.4021	0.374809	0.431385
PTPRM	0.022459	0.00756731	-1.56944	1
LSM14B	19.2509	15.6791	-0.296079	0.454033
TOMM7	289.805	315.863	0.124216	0.849965
EPM2A	0.447621	0.454699	0.0226333	0.996522
MANEA	1.23094	1.35129	0.134578	0.884031
KIAA0195	9.63766	7.33519	-0.393848	0.371307
CLPB	5.84068	6.9433	0.249485	0.636892
SRCIN1	0.482387	0.390289	-0.305648	0.747742
ZNF264	1.19506	0.973505	-0.295821	0.535369
ZNF713	0.172972	0.118235	-0.548883	1
LMNA	71.9959	83.0578	0.2062	0.688092
FAM160B1	1.80022	1.68937	-0.0916844	0.92539
RAD50	2.72287	1.84838	-0.558867	0.0788604
GSK3B	4.45981	4.43092	-0.00937655	0.994068
ZNF600	4.07816	4.39645	0.108423	0.902527
ZNF791	1.00635	1.05827	0.0725769	0.961459
ETAA1	2.44991	2.37297	-0.0460366	0.968709
SLC27A5	15.0348	17.6507	0.231423	0.647373
MGARP	0.208354	0.214189	0.039846	1
GNG7	1.30518	0.922637	-0.500418	0.390823
RNMT	7.57207	5.56011	-0.445574	0.135473
LOC654433	2.83392	2.97317	0.0691995	0.974348
MRPS6,SLC5A3	51.0457	88.3801	0.791932	0.00739414
CRYZL1	4.76532	4.34037	-0.134754	0.879418
BTD	1.0097	1.20966	0.260667	0.800413
RSPH3	1.75079	1.13211	-0.628987	0.248596
DENND5A	8.08144	6.0714	-0.412582	0.207155
MAPK8IP1	0.716066	0.397358	-0.849654	0.260643
USP4	3.02252	3.42494	0.18033	0.787473

PPME1	37.1895	41.0871	0.14379	0.807648
PMS2	1.20566	0.780908	-0.626595	0.239387
XAB2	27.0948	24.9226	-0.120558	0.862353
GPBP1	11.8175	13.0336	0.141318	0.818547
ZNF883	6.9738	6.74093	-0.0489968	0.962526
TUBA1A	37.1129	55.7837	0.587924	0.0318822
FAM156A,FAM151	0.451995	0.636763	0.494448	0.575745
TRIM4	7.90512	6.88756	-0.198795	0.709934
LGALS3BP	33.5853	29.7368	-0.17558	0.751996
MAN1B1	34.1166	29.3158	-0.218797	0.639138
FAM199X	2.83006	3.71327	0.391858	0.267205
STARD13	1.27658	1.21085	-0.0762714	0.946416
DAZAP2	24.5132	19.9435	-0.297638	0.852179
TSPAN6	15.1225	14.1937	-0.0914433	0.907256
GTF3C3	9.82145	7.50638	-0.387819	0.236362
PLK3	14.0513	15.895	0.177871	0.764456
PAPSS1	13.7684	12.1305	-0.182725	0.739517
ITGA1,PELO	12.4214	19.9747	0.685346	0.0111246
GNPAT	15.0378	15.2401	0.019281	0.985692
TM9SF4	12.8123	13.8551	0.112888	0.872818
SEC24D	2.6422	4.06354	0.620998	0.0541611
LOC729041	1.69317	1.0164	-0.736267	0.253875
CTDSPL	4.94228	5.37426	0.120892	0.874393
LZTS2	47.0976	52.5716	0.15863	0.779105
FYTTD1	7.66162	11.6508	0.604708	0.0832671
CGRRF1	5.61514	4.85199	-0.210744	0.777898
TTC33	1.33952	1.27012	-0.0767464	0.944774
STK17B	2.42584	2.01179	-0.270007	0.602107
RILP	17.0984	12.4815	-0.454062	0.260223
TFRC	6.87632	19.3638	1.49365	0.00153868
THAP5	4.84328	5.59998	0.209438	0.699335
FAM83G	10.4203	6.78798	-0.618337	0.0625465
ANKRD16	11.0133	10.6755	-0.0449482	0.989857
PDE4A	1.12798	0.66427	-0.763899	0.13407
KAT2A	32.1061	45.0739	0.489443	0.0956889
PHPT1	99.9695	136.876	0.453305	0.133159
C11orf68	43.9161	70.8679	0.690382	0.00659556
PCNX	2.34247	2.1018	-0.156404	0.80005
TBL1XR1	14.7478	13.2223	-0.157527	0.779141
CCDC117	4.2817	6.15071	0.522568	0.0949082
MAP3K14	2.59536	2.85343	0.13676	0.876679
DTWD1	7.24782	6.63074	-0.128378	0.860087
RPL36	5095.07	5727.15	0.168715	0.774988
JMJD6	18.6031	47.5907	1.35514	0.00153868
TNK2	7.40161	8.40271	0.183014	0.765218
IMPA1	7.99763	8.35267	0.0626658	0.945399
ZNF749	0.661463	0.827323	0.32279	0.695963
VPS26B	13.6546	17.1763	0.331033	0.369131
FAM20B	6.86732	8.3725	0.28591	0.460632

RPL31	4315.95	4649.48	0.107389	0.890882
MARCH2	12.2463	12.0019	-0.0290808	0.981354
IDI1	14.6605	28.9956	0.983895	0.00153868
TSPYL2	11.7774	11.2056	-0.0717947	0.936242
KRT8	18.6995	13.7743	-0.441022	0.87935
FAM133B	11.129	15.5573	0.483261	0.12218
PLEKHO1	19.6212	23.2844	0.24695	0.619482
RBL2	3.06883	2.14741	-0.515092	0.361388
MOSPD2	0.681425	0.501061	-0.443569	0.529248
ZNF189	5.10073	5.40311	0.0830864	0.926199
RAB11FIP1	4.11011	4.14459	0.0120522	0.992304
SH2B1	11.5261	20.6855	0.843718	0.00153868
ARAF	15.5823	20.2623	0.378893	0.901684
DOCK1	5.10539	4.17958	-0.288664	0.476106
MAPK3	61.8785	49.728	-0.31538	0.392582
TMCO6	8.3663	8.41268	0.00797626	0.997552
BCKDHB	6.56035	5.86266	-0.162218	0.846945
ULK2	1.34126	0.93684	-0.517719	0.319848
OSGEPL1	1.74066	1.0663	-0.707018	0.136981
TMEM134	38.2375	38.6636	0.0159868	0.989716
ZNF182	1.00927	1.2969	0.361751	0.54556
MPND	19.9752	23.6664	0.244628	0.632632
SIAH2	13.6204	20.331	0.577913	0.0475987
ABCG2	0.458058	0.389332	-0.234528	0.823376
LTBP4	13.7493	9.14831	-0.587783	0.0484091
LOC100288778	11.4336	9.45604	-0.273968	0.633194
DUSP3	19.2188	19.311	0.00690528	0.994734
SMAD1	3.35997	2.99283	-0.166939	0.826651
REV1	2.50063	2.92953	0.228377	0.688371
TMEM159	41.3657	29.8707	-0.469705	0.115387
HSP90B1	78.5602	108.548	0.466462	0.12195
ADAM22	0.44729	0.442061	-0.0169664	0.992304
SPIN4	1.23965	1.22365	-0.0187431	0.991175
ZNF319	2.70705	2.62266	-0.0456874	0.971768
CHD9	1.51769	1.46573	-0.050255	0.959846
GDI1	43.6479	50.2693	0.203763	0.672486
LNX2	1.40963	1.48665	0.0767393	0.945208
RPL37	955.051	961.228	0.00930023	0.994116
ATMIN	3.54194	4.3506	0.296675	0.483696
USP37	1.04728	1.00587	-0.0582081	0.960032
ARHGEF10	5.32195	5.74192	0.109578	0.881554
LOC100289561,P	27.2339	27.3884	0.00815723	0.994582
MST4	9.71117	11.1733	0.202332	0.690313
ROBO1	0.894042	0.645244	-0.470498	0.33256
LIN37	8.07833	7.91395	-0.0296588	0.981543
SCAF11	3.68613	4.52985	0.297355	0.446894
TOM1	14.7182	10.09	-0.544673	0.0802776
FAM229B	2.20061	1.40586	-0.646457	0.544322
ZDHC11	2.90725	2.9318	0.0121352	0.994116

FTCD	0.0130476	0	#NAME?	1
MLLT10P1	0.113097	0.0795526	-0.507576	1
CEP192	0.842087	0.720526	-0.224918	0.747122
DRAM2	18.6775	12.5611	-0.572339	0.180016
ZXDB	3.80861	3.02167	-0.333917	0.428853
IPP	1.14402	0.893034	-0.357321	0.940847
TPGS2	30.2166	27.5565	-0.132946	0.881554
MRGBP	35.1144	41.7418	0.249429	0.551785
CSAD	1.82058	2.16057	0.247014	0.933845
ANKRD36	0.267633	0.229637	-0.220905	1
OXR1	7.57763	9.81143	0.372716	0.276302
PAQR5	2.42247	2.72297	0.168705	0.810769
LRRC42	23.5054	29.9436	0.349254	0.331199
SARNP	37.3002	49.4974	0.408171	0.352954
ZNF19	0.651091	0.345509	-0.914138	0.115592
ZNF490	1.52861	1.18352	-0.369133	0.450707
RPAP2	4.14095	3.70136	-0.161906	0.879498
PKP3	36.4259	29.5221	-0.303169	0.436281
PRKD2	13.9262	22.2243	0.674336	0.0169799
ADAMTSL1	0.436047	0.600889	0.462616	0.667733
IFT122	2.61437	1.90262	-0.458479	0.714933
UBA3	13.3882	14.6405	0.128998	0.84703
CDON	0.218407	0.293302	0.425369	1
HSPG2	1.41836	1.74025	0.295076	0.538495
EXPH5	0.25416	0.151893	-0.742682	1
ABCA7	1.98368	1.77995	-0.15634	0.864689
TOP1MT	98.3504	122.692	0.319044	0.361239
TREM1	0.084305	0.0226241	-1.89775	1
UBXN4	14.237	12.6537	-0.170082	0.753321
MCF2L	1.37491	1.02918	-0.417844	0.407487
TMEM123	38.1386	32.3459	-0.23767	0.59533
PCNP	38.429	38.5052	0.0028571	0.998272
APP	64.0444	59.4039	-0.108514	0.876679
CORO2A	4.80195	3.60256	-0.4146	0.235173
ZNF383	1.71858	1.33071	-0.369021	0.606595
IMPAD1	8.9247	13.9805	0.647539	0.0117316
REEP2	42.3765	32.5658	-0.379907	0.266689
ICAM1	24.6284	33.4657	0.442357	0.145411
VAMP4	2.4272	1.89011	-0.360822	0.508812
EIF4B	146.283	125.977	-0.215603	0.654907
C8orf44,C8orf44-ε	2.01118	1.96565	-0.0330314	0.981441
WDR91	2.10305	2.11578	0.00870354	0.994661
CCRN4L	10.5146	11.102	0.0784228	0.934861
PHLDA1	60.6187	51.4699	-0.236032	0.604499
CRELD1	10.087	5.82022	-0.793346	0.00970147
ZBTB33	3.39164	4.32921	0.352123	0.367921
MSMO1	16.4457	27.0727	0.719124	0.00380811
LGALS1	4.89927	5.88038	0.263341	0.566107
PLXNB2	19.6692	19.8297	0.0117235	0.992304

MAGI2	0.208365	0.117249	-0.82954	1
ZBTB17	10.5255	10.7915	0.0360027	0.974593
THOC2	3.05179	3.59235	0.235272	0.633194
RPS17L	0.830965	0.149426	-2.47536	0.348481
BRIP1	1.23526	0.731084	-0.756702	0.0220668
FBXO10	2.10346	2.67967	0.349289	0.473572
CCDC71L	2.58979	2.13591	-0.277984	0.614872
SMAP2	13.6453	16.0443	0.23366	0.620113
SLC22A18AS	0.85129	0.316519	-1.42736	0.465794
RBM5	20.7039	17.1154	-0.274606	0.489743
VWTR1	1.92341	1.8946	-0.0217756	0.986782
HIBCH	2.1297	3.35667	0.656378	0.124219
RABGAP1L	2.35012	1.6837	-0.481102	0.627993
TBC1D25	5.32692	6.23143	0.226262	0.669327
TNRC6A	1.20839	1.50248	0.314257	0.506475
LRRC20	5.28371	4.01647	-0.395624	0.338224
CCDC136	5.38314	5.56177	0.0470966	0.974348
PDS5B	1.63996	2.00869	0.2926	0.521714
EDEM1	8.63341	6.78827	-0.346888	0.318231
IDH3G	58.1966	61.2095	0.0728218	0.975492
FBXO8	3.22205	1.53108	-1.07343	0.064033
RPL12	8754.06	8107.21	-0.110748	0.891828
SPIN3	1.80617	2.20387	0.287109	0.754724
LYPD3	0.387716	0.277185	-0.484152	0.775657
PPP1CB	19.5611	16.4211	-0.252436	0.531891
PDE5A	0.292437	0.180003	-0.700105	1
CGB8	0.714679	0.410468	-0.800023	0.62495
LLGL1	15.3978	14.8176	-0.0554104	0.98206
DYM	8.14463	4.89329	-0.735043	0.0111246
PBX2	25.5348	21.5205	-0.246757	0.554884
RPS19	5346.91	5940.58	0.151899	0.821425
SMIM14	1.16906	0.401308	-1.54257	0.321459
DCLRE1B	2.42508	2.93072	0.273221	0.628664
RAVER2	4.52747	5.22046	0.205471	0.887978
TTL13	0.109315	0.0738229	-0.566347	1
FAM193B	7.83207	8.65258	0.143736	0.846005
KDELC2	3.55043	2.70689	-0.391354	0.320294
EFCAB7	0.77361	1.02002	0.398919	0.594419
RAB38	19.6319	18.4174	-0.0921326	0.908707
CAMK2B	0.0545305	0.0230171	-1.24436	1
MEX3D	21.8162	26.2409	0.266416	0.570328
RAC3	202.582	270.761	0.418519	0.177708
LOC100505738,M	2.21269	2.74903	0.313126	0.66669
CATSPER1	1.859	0.796122	-1.22346	0.0123712
SEPT11	11.9326	16.6364	0.479431	0.0999674
RPS21	6583.18	7013.04	0.0912544	0.90933
ALDH7A1	12.8019	11.345	-0.174303	0.745392
BAG4	3.33938	4.67445	0.485215	0.542635
HOXB9	20.2294	17.6455	-0.197152	0.703707

ZNF782	0.531978	0.519202	-0.03507	0.98206
FLJ38109	0.0526369	0.0583034	0.147505	1
B3GNL1	5.22433	3.62118	-0.528787	0.318494
CPT1C	4.2887	2.69191	-0.671907	0.110718
KLHL15	1.30435	1.22428	-0.0914	0.931711
MED4-AS1	3.15822	3.31488	0.0698454	0.993157
ZNF195	6.10165	5.36434	-0.185797	0.756518
PPM1J	19.2522	21.3907	0.151958	0.817908
STXBP1	17.4488	15.1654	-0.202347	0.678939
IL6ST	2.52494	3.19204	0.33823	0.385184
TIGD5	23.7988	40.2487	0.758051	0.00153868
NUDT16P1	3.32006	3.52467	0.0862807	0.945887
RBM48	6.55948	6.9596	0.085422	0.932687
PAPOLG	1.43021	1.34602	-0.0875214	0.929461
AHDC1	1.27735	2.35323	0.881487	0.0111246
PHC1	3.71463	3.08279	-0.268982	0.930356
ZNF639	8.24117	9.17822	0.155365	0.804859
FEZF1-AS1	2.18181	1.0407	-1.06798	0.0355697
TNNC1	0.37983	0.185626	-1.03296	0.57283
COX10-AS1	1.2507	1.23913	-0.0134047	0.996973
FAM117B	1.25581	1.29053	0.0393479	0.975492
DAND5	0.0888408	0.0823538	-0.109387	1
ARHGAP29	28.7567	35.5249	0.304932	0.414529
PRKCZ	16.4167	14.4262	-0.18647	0.898747
ZNF286A	2.00437	2.76462	0.463934	0.196981
ZNF275	2.57708	2.85264	0.146559	0.843686
ZNF197	2.69178	2.10391	-0.355486	0.46089
ST8SIA1	0.00408395	0.00157722	-1.37258	1
MAN2A2	6.46371	7.35546	0.186452	0.72743
LSM11	1.31146	0.90385	-0.537023	0.376279
NRIP3	0.0168419	0.0100427	-0.745907	1
MAPK8IP3	8.03135	9.22956	0.20062	0.704283
ELP2	24.4341	13.7883	-0.825457	0.00153868
SRPK2	7.86224	7.33807	-0.0995391	0.895596
LOC339524	0.0183968	0.00720308	-1.35277	1
ZFYVE21	23.9666	29.9831	0.323122	0.411641
SIRT3	10.489	6.67576	-0.651872	0.69054
FMO5	0.120738	0.0417446	-1.53222	1
RPL35	9015.47	10102.2	0.164195	0.798422
CNN2	102.534	112.502	0.133845	0.828968
RPS12	8021.01	8101.38	0.0143841	0.991167
GPATCH8	4.15211	4.54364	0.130002	0.847896
CDK9	42.7097	67.0807	0.651336	0.0117316
NDUFB5	66.5242	55.1533	-0.270432	0.503119
CASD1	3.30439	4.28498	0.374901	0.346208
COQ10A	11.1051	10.6684	-0.0578894	0.958143
NUMB	9.1602	8.14418	-0.169609	0.773721
RASSF3	5.31278	11.067	1.05872	0.00153868
GTPBP1	11.9608	11.9846	0.00286847	0.998382

GCA	2.09506	1.28256	-0.707963	0.0550104
LOC100132781	0.0201107	0	#NAME?	1
TBC1D23	8.86461	6.93002	-0.355197	0.314558
KRTAP5-1	0.0956936	0.0880824	-0.11957	1
IGSF9B	0.116694	0.166439	0.512255	1
VPS39	7.25948	6.14841	-0.239652	0.604705
LRRC37B	1.5836	1.01599	-0.640312	0.270565
NINL	1.80854	1.74828	-0.0488915	0.970185
ZNF318	2.08823	1.97793	-0.078287	0.934312
DALRD3	31.5188	28.4435	-0.148113	0.946021
AEBP2	1.55584	1.71888	0.143772	0.864624
SLC12A7	11.1202	13.7438	0.305601	0.417991
DYNC1I2	11.796	11.7928	-0.00039415	0.999234
TSGA10IP	0.560116	0.147996	-1.92017	0.0937156
DHRS12	2.17076	1.5145	-0.519353	0.480434
PHKB	3.25877	2.27333	-0.519523	0.107265
CNTNAP1	5.71404	4.95807	-0.204734	0.705194
NUDT18	10.23	4.40313	-1.2162	0.00153868
NME3	61.3511	64.5582	0.0735121	0.938489
SNIP1	3.44019	3.41797	-0.00934946	0.994475
ATP6V0E2	0.00865616	0.00793459	-0.125572	1
GIGYF1	18.502	21.4523	0.21345	0.644644
CCDC23	9.86604	7.98815	-0.304608	0.733299
TMEM132A	27.4155	42.3632	0.627821	0.0198871
GNA13	5.07837	4.55953	-0.155481	0.796502
SHISA4	10.2294	8.40662	-0.283124	0.61305
DTNB	12.5612	6.4836	-0.954107	0.00153868
RNASL	0.392663	0.247527	-0.665707	0.328749
HYAL1	0.027583	0.0554971	1.00863	1
PARS2	5.1454	5.95843	0.211648	0.733299
RHPN2	4.50778	5.46675	0.278265	0.563587
FUNDC2	17.6461	20.4184	0.210519	0.65647
VIPAS39	5.12325	3.31466	-0.628197	0.0653297
TTC28-AS1	11.5529	10.3652	-0.156497	0.876392
DDX59	4.18749	2.52851	-0.727797	0.0464744
SLC35E2	2.9874	1.95169	-0.614169	0.26191
LRSAM1	14.5864	10.6783	-0.449941	0.161367
GAMT	0.222661	0.0547786	-2.02316	1
DYRK1B	0.931374	1.7485	0.908688	0.101333
THOC1	7.17556	11.0228	0.619323	0.0338188
SRSF11	29.8405	34.7274	0.218801	0.639446
C20orf111	24.4888	13.4972	-0.85946	0.00153868
ZNF445	0.959583	1.16017	0.273859	0.61305
PIGA	2.25011	2.2703	0.0128884	0.993157
HPS1	27.6747	25.1864	-0.135922	0.854286
SMYD4	1.84242	1.75323	-0.0715895	0.950252
DUSP8	4.14716	4.36872	0.075087	0.99079
LOC389906	15.4084	21.0639	0.451058	0.190723
OR7E37P	0.197978	0.265075	0.421059	1

CDC73	4.55823	5.18985	0.18722	0.725976
NCAPD2	25.4874	16.5776	-0.620548	0.0181648
H1F0	167.993	67.4208	-1.31713	0.00153868
CAMKK1	5.09138	4.73266	-0.105405	0.906254
MNT	6.0759	4.57751	-0.408536	0.276711
SREBF2	23.0071	23.5049	0.030884	0.976134
OST4	448.325	559.276	0.319016	0.426872
FAM131B	4.80121	3.19357	-0.588228	0.0660778
BRAF	1.76124	1.05584	-0.738195	0.0788604
PFDN5	445.999	500.832	0.167286	0.765759
C3orf58	2.82196	4.13025	0.549533	0.0997561
NEIL3	1.35082	1.57513	0.221634	0.806525
LOC100506710	6.42372	7.34012	0.192394	0.711466
ZNF613	1.34158	1.64811	0.296873	0.695113
ZNF276	4.9304	5.58793	0.180611	0.921683
EP300	1.16357	1.09601	-0.0863005	0.933712
THUMPD3	10.2738	8.88159	-0.210073	0.660186
FBXO41	5.64245	5.40796	-0.0612353	0.948368
RPL24	4026.03	4438.35	0.140665	0.831614
C9orf174	0.358169	0.343517	-0.0602566	1
AGRN	12.0866	17.1894	0.508109	0.0748376
TTC30A	0.107519	0.0816714	-0.396684	1
FBXO44	18.4014	22.3032	0.277434	0.513296
RSRC2	19.2458	23.6852	0.299444	0.439308
CIDEB	1.47982	3.72808	1.33302	0.147146
YY1AP1	16.9833	17.0542	0.00600632	0.995202
ISCA1	23.3417	32.2099	0.464591	0.116553
ANKRD36B	0.26075	0.211839	-0.299703	1
TAF2	4.81809	6.60661	0.455447	0.14417
ZNF266	7.85395	8.02106	0.0303739	0.97562
LUC7L	20.0485	48.2745	1.26776	0.00153868
DYRK2	2.86136	4.0744	0.509887	0.108351
ING5	3.00637	5.03416	0.74373	0.0143403
GDAP2	1.16969	1.62334	0.472839	0.397131
MTRNR2L1	0.519442	0.383127	-0.43914	0.718411
PARVB	34.5417	35.4014	0.0354696	0.974073
KLHDC2	15.6042	9.88779	-0.658214	0.020985
SNN	6.7499	8.22403	0.284979	0.722151
RAD9A	4.74774	7.29186	0.619046	0.879055
SAMD1	43.2804	56.7832	0.39175	0.280545
HECTD2	0.692544	0.667777	-0.0525395	0.97664
ZNF704	0.321724	0.219183	-0.553685	1
SLC25A43	6.92871	7.62434	0.138026	0.85253
TSEN34	48.8746	61.3138	0.327128	0.347606
RNF135	5.75143	4.32734	-0.41044	0.368389
ALKBH1	4.02384	5.10995	0.344738	0.436281
GSN	27.9289	20.3575	-0.456201	0.139083
CCDC28B	7.09111	6.61305	-0.100696	0.936242
PP2D1	0.0455644	0.0318839	-0.515077	1

MT1F	79.312	64.7884	-0.291805	0.569765
TM7SF2,VPS51	59.3396	49.6643	-0.256784	0.649244
ZFC3H1	1.37717	2.87701	1.06286	0.00153868
RHOV	5.40627	9.25701	0.775911	0.0270318
FBNP1L	4.13584	3.02014	-0.453565	0.201817
VEZT	5.28537	4.27253	-0.306912	0.439075
ANKRD10	7.11106	9.87146	0.473199	0.193396
STRN3	3.89171	4.75592	0.289318	0.565953
ARL1	13.4094	17.4035	0.376135	0.25951
DNASE1L1	13.9458	9.86375	-0.499627	0.894042
ZNF146	14.3045	17.6343	0.301918	0.414529
LGR4	1.03547	1.38039	0.414786	0.401334
FBXO5	7.40133	8.46818	0.194267	0.743414
RPS14	4113.32	4391.76	0.0944961	0.908098
GOLGA6L9	0.169365	0.138055	-0.294897	1
ACADSB	2.14676	2.15976	0.00870884	0.994279
SLC38A4	0.0334967	0.0444146	0.407015	1
AKT3	1.24324	0.81892	-0.602315	0.112663
ZNF770	7.19685	8.00079	0.152777	0.795757
WHAMMP3	0.157059	0.153661	-0.0315558	1
HECA	3.92596	2.41833	-0.699037	0.0117316
TPP1	28.5383	24.6494	-0.211348	0.650386
RNF111	1.98701	2.16887	0.126348	0.876699
USP2	0.484515	0.684445	0.498394	0.559735
RPS29	9233.25	9725.58	0.0749454	0.933369
NUDT2	45.0246	32.7503	-0.459204	0.162857
KIAA1407	0.332504	0.141507	-1.2325	1
RB1CC1	5.23872	3.07791	-0.767263	0.00380811
PDSS2	2.09964	1.63423	-0.361532	0.495723
ZNF808	0.497354	0.307873	-0.69194	0.261879
ZNF507	1.29867	1.29931	0.000714414	0.999234
TMEM37	0.212806	0.0306185	-2.79706	1
MYO5B	0.898632	0.365013	-1.29978	0.00153868
VAPA	15.2779	16.552	0.115559	0.86364
SAMD9	0.188076	0.148554	-0.34033	1
NRL	0.537516	0.258914	-1.05384	0.244537
OPTN	24.7409	12.8322	-0.947124	0.00153868
C9orf114	28.7876	47.794	0.731381	0.00820276
FZD3	1.22553	1.20933	-0.0191993	0.986871
ART5	0.429065	0.30123	-0.51033	0.76395
CASC4	8.60084	8.30535	-0.0504371	0.956285
CYP2R1	9.44166	8.30738	-0.184647	0.775896
FBLN5	2.27008	1.0227	-1.15036	0.00572929
ZBTB42	4.00913	5.72401	0.513739	0.155397
STX7	4.23001	4.25566	0.00872168	0.994582
AFF1	1.8821	2.35083	0.320828	0.439404
LARP1B	4.48715	5.79374	0.368698	0.346329
SCARF1	0.654404	0.365283	-0.841165	0.221615
C2orf43	2.62601	2.36601	-0.150418	0.859038

IMP3	112.139	187.922	0.744854	0.00380811
UFSP2	8.92089	6.71093	-0.410676	0.303947
HBS1L	5.18271	6.09862	0.234775	0.662083
CD59	14.105	18.8852	0.42105	0.169436
PCSK4	0.930897	0.305458	-1.60765	0.0285456
ANKH	3.64969	3.27274	-0.157276	0.802444
SETD5	6.14798	6.90884	0.168331	0.759971
PLEKHH2	0.00569461	0.0012547	-2.18225	1
ACBD3	7.35008	8.13755	0.146834	0.814388
TTC37	1.17406	1.19681	0.0276942	0.981963
SDCBP2-AS1	0.25937	0.108211	-1.26117	1
KIAA0430	1.50636	0.794457	-0.923025	0.00478151
RPS15A	4233.59	4378.34	0.0485027	0.960263
SLC4A3	3.29606	3.21012	-0.0381169	0.975928
SWAP70	5.1574	4.37341	-0.237885	0.628345
LOC100270746	2.18465	1.96595	-0.152177	0.937886
GGPS1	8.12716	5.40177	-0.589318	0.0617671
OSBPL8	3.44369	4.26506	0.308608	0.423417
ADC	3.12197	2.57049	-0.280417	0.708142
FILIP1L	2.59933	1.11483	-1.22132	0.336576
PSMG3-AS1	0.294312	0.210963	-0.480354	1
SUCO	2.48068	1.85437	-0.419809	0.280619
FBXW10	0.0425739	0.0466045	0.130502	1
PRPS2	25.1152	26.2254	0.0624046	0.942184
HIF1A	1.85157	2.06716	0.158901	0.934861
SLC9A3R2	35.0012	46.4436	0.408075	0.215771
RPS13	3295.57	3616.23	0.133959	0.842721
PRRC2B	17.4451	18.4788	0.0830474	0.912357
DYNC2LI1	11.1479	6.14531	-0.859218	0.00739414
PRMT2	17.0952	21.4673	0.32855	0.40075
MARCKSL1	222.648	355.682	0.675822	0.00659556
COG2	5.43912	6.3831	0.230883	0.664657
MAP3K2	1.32759	1.0934	-0.279994	0.560973
KCTD21	0.828832	1.07564	0.376042	0.59798
THOC6	123.022	141.208	0.198907	0.828968
DPF2	24.9441	20.8152	-0.261064	0.539675
KDM6A	1.96594	1.49537	-0.394717	0.351429
PCED1A	13.565	12.8292	-0.0804618	0.975928
SP4	0.499601	0.358108	-0.480381	0.42515
FGGY	7.67904	4.76526	-0.68837	0.0388971
PHKA2-AS1	0.0933257	0.0562177	-0.731249	1
MCC	0.0211855	0.026905	0.344793	1
METAP1	26.0681	27.714	0.0883271	0.905839
NUCB1	93.9042	87.2689	-0.105722	0.87935
LOC100507634	0.521008	0.648236	0.315213	0.810501
IL20RA	0.702292	0.351241	-0.999609	0.0529824
NMT2	3.31188	3.30572	-0.00268407	0.998491
CASZ1	1.91458	2.54706	0.411809	0.430256
RRAGB	2.63784	2.74546	0.0576913	0.967226

SSR4P1	0.502565	0.328839	-0.611931	0.55344
RWDD1	32.8738	47.2373	0.522987	0.0685533
AGL	1.50444	1.55112	0.0440903	0.968709
GSG2	3.00663	2.9593	-0.022891	0.992304
PDP1	4.97662	2.60412	-0.934367	0.00153868
PARPBP	1.39131	1.89181	0.443321	0.393864
FBXO6	13.3059	12.789	-0.0571598	0.956177
TWF1	24.9631	28.6861	0.200557	0.683037
SORD	38.5555	32.0783	-0.26534	0.502136
LOC150776	7.85621	9.35136	0.251343	0.902666
APBB3	6.9059	3.02086	-1.19287	0.00153868
R3HCC1	40.4829	35.3406	-0.195986	0.69847
PRPF4B	2.61207	5.01836	0.94202	0.00153868
CHD6	1.13678	0.693346	-0.713303	0.0334318
HOXA1	1.10724	0.954828	-0.213652	0.858729
AXL	188.453	133.651	-0.495733	0.0894386
GINM1	12.5567	9.6372	-0.381771	0.354109
ZBTB1	3.82352	3.48541	-0.133571	0.861774
WBP5	40.9551	42.517	0.0539954	0.952795
FAM193A	3.77659	3.53604	-0.0949477	0.91609
PRR15	1.80192	2.24798	0.319095	0.740088
ZNF212	7.32628	6.59782	-0.151092	0.831834
RHPN1	23.4963	20.1882	-0.218921	0.647731
ZNF44	1.72688	1.44894	-0.253173	0.73849
SAMD12	1.49727	1.02249	-0.550247	0.155896
RELT	10.2219	14.1903	0.473239	0.12218
SEPW1	165.28	280.477	0.762964	0.00274688
EZH1	3.62926	2.88297	-0.332118	0.452338
ZNF830	10.7505	13.7862	0.358821	0.358432
NDUFS4	61.1914	67.6107	0.143923	0.813871
ZNF33A	2.32761	1.98187	-0.231983	0.662138
UHMK1	9.39808	9.50154	0.0157953	0.988513
ACAP2	3.37224	2.98198	-0.177436	0.764456
CRLS1	14.9351	19.7767	0.405095	0.199784
RTTN	0.739098	0.550749	-0.424371	0.424149
PPP2R2A	17.0823	20.7681	0.281865	0.465179
TOB2	13.9343	17.9907	0.36861	0.275833
SLC17A5	7.68348	6.45232	-0.251943	0.596937
EML3	16.8899	15.8575	-0.0910021	0.912646
KIAA1033	2.25211	1.76827	-0.348942	0.418773
IFT140	4.37151	2.23821	-0.965786	0.379394
TKT	257.666	229.45	-0.167326	0.764196
ZBTB37	0.195061	0.0809559	-1.26872	1
TIGD6	0.940389	0.566445	-0.731322	0.869473
TRABD2A	15.9229	18.7033	0.232195	0.645373
DPY19L1P1	0.543717	0.366967	-0.567207	0.817355
APAF1	1.28228	1.01938	-0.331025	0.69402
CD3EAP	1.86139	4.16971	1.16356	0.736853
AMZ2	43.1915	30.8687	-0.484602	0.103353

CRLF3	5.53426	6.09507	0.139253	0.845932
KIFC3	39.556	35.3099	-0.163824	0.768598
CERK	10.7042	13.5389	0.33893	0.338675
BACH1	2.48521	1.67178	-0.571983	0.0907094
ZBTB47	1.61883	1.59805	-0.0186397	0.991167
CHMP7	16.2918	21.8039	0.42044	0.166637
RNASEH2C	18.5493	30.5596	0.720258	0.0226901
C22orf29,GNB1L	12.4984	20.7991	0.734777	0.168476
OLA1	43.2942	34.5928	-0.323703	0.362943
POLL	19.4689	10.8213	-0.847298	0.00274688
EML2	14.0361	8.60945	-0.705153	0.0741309
ARSG	0.742439	0.425177	-0.80421	0.458976
ACBD6	29.9843	33.9316	0.178424	0.752718
C5orf24	5.23052	6.12134	0.226894	0.633194
STAT5A	7.7777	6.07266	-0.357016	0.357812
JRK	6.32496	12.1944	0.947089	0.00153868
KIAA1551	0.687138	0.798683	0.217023	0.772734
MAP3K7	5.21617	6.59232	0.337795	0.358517
POU6F1	1.48522	1.43649	-0.0481276	0.970311
ZMIZ1	1.88006	1.17384	-0.679548	0.0580068
PEBP1	152.817	202.787	0.408163	0.204028
PNPLA4	8.16119	5.88443	-0.471878	0.15618
POLR2H	206.171	258.396	0.325743	0.36961
TMEM39B	15.445	15.8378	0.0362299	0.974777
ZNF419	2.29385	2.06733	-0.150008	0.8783
VASH2	0.428076	0.345892	-0.307546	0.756508
SCRN2	38.6426	28.273	-0.450765	0.180016
SUN1	14.2791	13.4135	-0.0902223	0.905545
KRT80	0.47206	0.32011	-0.560402	0.510068
RPL21	3605.86	3750.1	0.0565843	0.954501
VDAC3	96.5702	122.31	0.340892	0.332158
YPEL5	14.9561	8.21187	-0.864949	0.00153868
GLS	9.68528	13.8856	0.519719	0.0685533
MAPKBP1	2.28853	2.94028	0.361533	0.381086
BTBD6	40.6468	45.7687	0.17122	0.868343
USP47	5.27442	5.27742	0.000819663	0.999234
KRIT1	3.82304	4.15097	0.118729	0.871748
SDCCAG3	97.9515	86.0202	-0.187393	0.713997
BMI1,COMMD3,C	71.4349	56.2956	-0.343606	0.517082
CDH24	8.29449	11.365	0.454367	0.194509
PCSK5	1.34216	0.847779	-0.662794	0.200395
CCT6B	1.54094	0.811812	-0.924595	0.0617671
STK17A	5.99595	9.88156	0.720749	0.00572929
RAP1A	18.703	18.6684	-0.00267206	0.998382
SNX6	22.4869	21.1547	-0.0881107	0.905305
GNB5	7.24295	5.63014	-0.363408	0.355674
ACTN1	63.1889	72.6978	0.20224	0.683545
PANK3	3.30508	3.71231	0.167632	0.808394
FNTA	52.0099	29.8587	-0.800634	0.00153868

HERC4	5.19035	5.04586	-0.0407316	0.970185
STK16	10.179	8.23807	-0.305217	0.861141
SHC2	15.6177	9.7312	-0.682491	0.0220668
GMPR2	37.0572	31.8067	-0.220425	0.642161
TSPAN31	6.67772	4.04432	-0.723458	0.906934
DCXR	207.536	237.506	0.194598	0.70251
ENPP4	1.39829	1.13676	-0.298741	0.618375
TNFAIP8L1	5.64641	5.64226	-0.00106039	0.999234
EHHADH	0.554918	0.324624	-0.773504	0.173978
APOBEC3C	13.3503	7.01338	-0.928695	0.00380811
ZNF302	3.81312	3.4587	-0.140741	0.860871
DGKA	9.0872	6.94447	-0.387971	0.306426
ADH5	41.7351	31.6407	-0.399478	0.214827
PAX2	1.63774	1.67099	0.0289972	0.985265
DYNLL1	261.045	555.787	1.09023	0.00153868
LSS	12.8212	21.1881	0.724724	0.00274688
OXSM	16.1491	12.8382	-0.331014	0.45301
C19orf52	15.7276	16.4969	0.0689006	0.947962
C5orf42	0.154011	0.193803	0.331556	1
GMIP	13.8911	11.9488	-0.217302	0.662987
EMP3	147.502	165.21	0.163569	0.76719
TEAD1	4.02528	3.51947	-0.19373	0.705123
EXT1	11.147	8.10252	-0.460215	0.139083
ZBTB44	2.42603	2.10826	-0.202541	0.703975
RAB14	19.4355	24.929	0.35913	0.289821
NEXN	0.0118315	0.0202207	0.773204	1
RPL7A	10221.6	10761.8	0.0742985	0.947681
MMS19	19.9038	16.3136	-0.286974	0.463077
PERP	27.0378	21.2957	-0.34442	0.321903
VGFB	26.1526	27.9877	0.0978343	0.906934
GOLGA8S	0.268547	0.282029	0.07067	1
FNDC4	10.2808	10.1141	-0.0235879	0.983243
RNF44	8.59127	6.96547	-0.302652	0.483696
SPRED1	3.14276	2.87662	-0.127659	0.860592
GPATCH1	1.6553	1.73623	0.0688661	0.957719
DPY19L4	4.04204	3.12649	-0.370538	0.317407
FAM217B	1.80121	2.29708	0.350834	0.553733
ARIH1	8.39021	8.99989	0.1012	0.887356
PHF8	6.86627	8.17134	0.251046	0.574633
RAP2A	2.81331	3.09437	0.137381	0.861774
EPS15L1	11.8401	13.1631	0.152816	0.80416
ZNF324	4.07509	5.54755	0.445019	0.278619
ZSWIM8-AS1	3.05608	2.29226	-0.414913	0.854032
NT5DC3	2.48918	3.37695	0.440051	0.199011
RPL4	3171.8	3112.34	-0.027305	0.980228
WDR31	0.342672	0.136972	-1.32294	1
TLR5	0.0213482	0.00646533	-1.72332	1
KIAA0146	7.53816	6.80299	-0.148042	0.824372
ZNF174	3.56016	5.5804	0.648426	0.0959472

BIK	5.7012	6.95918	0.287652	0.704985
KIF1B	3.44921	2.69854	-0.354086	0.346954
MINA	7.09029	8.79904	0.311503	0.426631
MTERFD1	29.8545	38.0239	0.348957	0.318494
COL4A3BP	4.3491	3.68773	-0.237986	0.687762
MGEA5	19.1228	10.3752	-0.882158	0.00153868
RNF113A	29.7049	26.3467	-0.173076	0.9194
SERINC4	1.32117	1.88503	0.512779	0.945689
MDM2	12.9097	12.9908	0.00903482	0.994116
ADD1	17.6728	18.9596	0.101391	0.886468
CXorf23	0.398204	0.394004	-0.015298	0.994058
CTTNBP2	0.546984	0.497766	-0.136032	0.907653
LOC440434	8.53708	7.72861	-0.143533	0.852788
ACAT1	46.7956	41.2884	-0.180638	0.726122
KIAA1191	28.3212	34.4199	0.28136	0.472023
NECAP2	21.0875	25.1719	0.255427	0.553653
RPL37A	9875.39	10771.5	0.125314	0.868825
COPB1	19.7845	15.4146	-0.360069	0.274062
CEP57L1	1.48048	1.3033	-0.183893	0.843293
USP3	8.52024	8.11656	-0.0700258	0.936071
MACROD1	86.5517	76.4954	-0.178189	0.749866
VPS8	3.04103	2.49381	-0.286205	0.539675
FAM216A	31.0436	21.6354	-0.520901	0.343199
ZNF492	0.00577841	0.00376066	-0.619686	1
CEP350	1.0709	0.901002	-0.249222	0.635374
LOC146880	9.8118	10.6757	0.121743	0.885904
CNTLN	0.944282	1.09358	0.211773	0.783706
KIAA1430	8.58156	7.35287	-0.222932	0.637815
TBC1D14	0.886071	1.37228	0.63108	0.854102
CCDC115	14.1528	18.3233	0.372593	0.318863
HSDL2	17.0315	9.96206	-0.773686	0.00153868
PHF20	2.69305	2.18509	-0.301542	0.50844
GPRASP1	0.105382	0.0652221	-0.6922	1
NR6A1	0.638208	0.832656	0.383694	0.708142
DDHD1	1.2161	1.80667	0.571079	0.0491395
AJUBA	10.9129	9.09793	-0.262422	0.536705
FARP1	11.5574	9.19945	-0.329198	0.379103
HEXDC	2.70977	2.23955	-0.274961	0.953159
DNAJA4	4.91455	17.5174	1.83366	0.00153868
SBSPON	0.220975	0.406158	0.878161	0.173275
VPS41	2.49006	1.8087	-0.461226	0.226511
ZNF561	4.11889	4.8833	0.2456	0.602107
DCP1B	8.53851	5.51861	-0.629681	0.0471668
CCDC120	0.279962	0.182569	-0.616785	1
RBBP4	6.80275	7.98756	0.231638	0.787278
C1orf198	8.09192	13.7149	0.761187	0.00274688
ZNF8	2.03314	2.46936	0.280427	0.712319
USP28	4.11966	3.73712	-0.140597	0.840593
ENOPH1	16.6411	22.8586	0.457985	0.125383

TNKS	3.1628	1.46434	-1.11095	0.00153868
ANXA11	59.809	50.0174	-0.257931	0.544735
RUNDC3B	0.00698456	0.00239959	-1.54138	1
RPL18A	5288.31	5698.44	0.107761	0.890882
SLC45A1	3.01981	0.9125	-1.72656	0.00153868
MMP19	1.86649	0.790948	-1.23867	0.524563
ETV6	1.6513	1.58352	-0.060469	0.958841
CRAT	74.3804	57.8359	-0.362958	0.27751
SCAMP1	5.71177	4.66783	-0.291184	0.458261
CACNB1	4.30911	5.75275	0.416862	0.297593
ERGIC2	15.5912	14.3153	-0.123175	0.861472
LOC100131564	0.378848	0.0938284	-2.01352	0.00659556
KIAA1147	3.86961	3.57129	-0.115741	0.87419
TCP11L1	3.20777	2.15222	-0.575743	0.152079
ZNF451	3.17308	3.14205	-0.0141783	0.991167
SAP30L	2.34551	3.00106	0.355574	0.386372
TICAM2,TMED7,T	12.8199	15.4567	0.269846	0.516033
AP4B1-AS1	0.0824233	0.0655767	-0.329867	1
TAB2	7.55862	6.73924	-0.165537	0.769869
VPS13A	1.21303	1.2164	0.00400278	0.997552
ZBED5	9.36297	8.63326	-0.11706	0.870725
GTSE1	8.72586	11.7454	0.428731	0.22323
SUZ12P1	3.84272	5.88523	0.614973	0.266976
STAT5B	7.77052	5.24606	-0.566776	0.0442243
ZNF22	8.06404	8.65694	0.102355	0.901786
ANXA2	590.73	666.969	0.17512	0.755384
RILPL1	8.51406	10.701	0.329828	0.419912
YTHDC2	1.83538	1.63604	-0.165876	0.818547
PROSC	26.3296	29.6808	0.172845	0.747742
APC	0.830488	0.957421	0.205194	0.749866
PLCB3	19.8822	17.4147	-0.191173	0.704317
DACH1	0.176664	0.0246991	-2.83848	1
MARVELD2	0.444138	0.449959	0.018788	0.994116
APOL1	0.0770359	0.117559	0.609784	1
ZC3H7A	4.56524	4.12179	-0.147418	0.825017
RPS28	6539.26	7023.44	0.103051	0.89536
SECISBP2	6.85373	7.48331	0.126788	0.858806
GPNMB	0.10711	0.0640026	-0.742897	1
CLDND1	19.9568	16.334	-0.288996	0.490815
KDM2B	7.74138	11.498	0.570722	0.0407657
ACACB	0.326289	0.262058	-0.316262	1
SPG11	3.43551	1.632	-1.07388	0.154835
SLC2A4RG	49.3328	40.5828	-0.281679	0.527665
SEMA4D	6.88967	7.62308	0.145939	0.823349
PCYOX1	4.76234	5.15116	0.113227	0.8775
LIPT1	6.98767	4.647	-0.58851	0.115142
HLA-B	408.705	448.046	0.132586	0.836801
PHF20L1	2.9849	3.31882	0.152985	0.840568
RNPEPL1	40.7345	37.9466	-0.102279	0.886445

USP25	3.39691	2.60984	-0.380261	0.319526
CIB1	172.621	199.264	0.207075	0.663419
IPO9	4.68234	5.42955	0.213602	0.647649
FASTKD1	8.93277	11.3998	0.351834	0.335507
JAZF1	1.82828	2.24072	0.293471	0.640772
LOXL1-AS1	1.16006	1.48559	0.35683	0.848939
GRIP1	0.310165	0.356101	0.199247	1
METTL9	23.1788	26.4988	0.193118	0.700208
KBTBD4	6.52639	8.62624	0.402446	0.836427
ILVBL	36.1271	33.1193	-0.125407	0.848603
KGFLP1	0.243492	0.0738667	-1.72088	1
MTX3	1.22029	1.15025	-0.0852784	0.934861
XPC	10.732	8.51836	-0.333275	0.37405
UBE2E3	43.258	50.1688	0.213822	0.64638
BPTF	1.42391	1.43386	0.0100486	0.994077
REL	0.174388	0.119808	-0.541569	1
METTL16	4.55419	7.39505	0.699365	0.00897284
STAMPB	5.52082	3.87798	-0.50958	0.0916618
ZNF3	17.5451	16.8095	-0.0617906	0.952184
DICER1	1.53737	2.08936	0.442591	0.194509
INSM1	0.208076	0.145171	-0.519359	1
CTSH	16.7131	17.1635	0.0383567	0.971057
WDR6	25.0206	33.4815	0.420244	0.464817
CACFD1	4.53651	3.12907	-0.535851	0.21252
FLJ22184	11.3047	5.73834	-0.978212	0.00153868
FRRS1	0.411706	0.153649	-1.42198	0.0603207
KCNQ1OT1	0.0587201	0.0649479	0.14543	1
CBX1	42.2357	47.2508	0.161876	0.764196
RNF125	1.91827	1.15519	-0.731682	0.0294837
RIMBP3	0.0373376	0.047734	0.354388	1
CD99L2	5.63615	4.10192	-0.458411	0.223482
POGZ	4.32876	3.55887	-0.282533	0.503719
SREK1	3.54633	4.18422	0.238633	0.609462
UBA6	5.90284	5.12772	-0.203093	0.684216
BOLA3-AS1	2.96654	4.0419	0.446252	0.821611
NSUN5P1	7.27557	11.0746	0.606123	0.649301
ALDH3A2	7.33149	7.59447	0.0508433	0.958829
GSTM4	12.3709	9.22207	-0.423786	0.277374
ENAH	3.4208	3.31872	-0.0437046	0.965252
ATRAID	97.8259	80.335	-0.284188	0.754724
CHKB,CPT1B	15.3445	13.4308	-0.192179	0.769904
RGL2	22.8995	15.3295	-0.579003	0.0308509
TDRD6	0.0325154	0.0263191	-0.305013	1
PIK3CA	1.14586	1.00239	-0.192981	0.825582
EPN2	8.50617	8.95517	0.0742109	0.933651
TSC1	3.57201	3.49914	-0.0297341	0.9772
PEX6	6.25306	4.46308	-0.486523	0.193924
GDF11	4.08403	5.50538	0.430847	0.607271
SGSH	15.006	12.1695	-0.302261	0.479105

RIPK4	0.0222318	0.0202855	-0.132173	1
PIAS4	9.13504	10.0301	0.134853	0.875956
STARD10	26.1373	25.9561	-0.010034	0.993923
TM4SF1	60.8276	104.766	0.784366	0.00153868
KIAA2018	0.479866	0.463389	-0.0504061	0.967343
FOCAD	1.90487	1.34076	-0.506644	0.177674
WDFY1	4.30125	3.07072	-0.486179	0.15255
C21orf58	1.3888	1.59124	0.196315	0.852271
MPG	175.732	139.417	-0.333969	0.614163
SAYSD1	3.66413	4.90092	0.419584	0.371307
EVPL	4.62296	5.04251	0.125325	0.869513
HDAC6	1.76076	1.13463	-0.633973	0.158977
PRKCI	7.16271	7.07899	-0.0169608	0.986916
RPE	5.34377	6.0953	0.189839	0.864982
RPL29	5118.29	5252.95	0.0374658	0.974073
NUDCC3	11.1447	12.6581	0.183709	0.722833
LHFPL4	1.08351	0.91889	-0.237745	0.792839
HINFP	9.27616	10.045	0.114874	0.885883
SOX8	15.7238	32.7276	1.05756	0.00153868
NDUFB4	234.455	273.623	0.222879	0.629991
HS1BP3	18.0439	7.31518	-1.30255	0.00153868
ADPRHL2	32.4769	41.0131	0.336669	0.349952
OGT	15.5697	13.577	-0.197572	0.93571
FAM160A2	8.43557	8.07954	-0.0622113	0.948523
L2HGDH	2.66405	2.74403	0.0426734	0.967978
PCGF1	16.2578	17.0814	0.0712959	0.962161
AGO3	1.16108	1.20246	0.0505174	0.971919
PFKP	76.5748	66.5749	-0.201891	0.680918
DNAJC4	18.8504	14.1888	-0.409845	0.321566
RPSAP9	8.56562	9.82809	0.198354	0.756321
NTPCR	37.3566	30.6005	-0.287806	0.516809
CELF6	0.797922	0.547182	-0.544227	0.490141
EAPP	21.2869	17.5463	-0.2788	0.502403
ITGB5	21.8378	16.3686	-0.415893	0.177708
PAK1	18.1919	12.5857	-0.531507	0.0475987
HOTTIP	0.0716282	0.0518026	-0.467502	1
USP32	3.30961	2.44297	-0.438026	0.188237
VPS11	9.977	7.94846	-0.327931	0.403413
EIF2AK1	26.5889	24.933	-0.0927677	0.911712
WBP11	23.7034	28.4806	0.264889	0.511505
C18orf32,RPL17,F	3722.41	3794.35	0.0276128	0.980228
RNASET2	49.8196	37.8721	-0.395578	0.243718
CDKN1C	10.4142	4.58739	-1.18281	0.00153868
TAOK1	3.07898	2.87955	-0.0966063	0.89836
RAB4A,SPHAR	8.68399	12.0162	0.468554	0.132574
AIP	52.9136	50.4611	-0.0684661	0.937886
RANBP6	4.37831	5.7929	0.403911	0.26191
GOLGA2P5	1.21152	0.951376	-0.348732	0.674722
ASPHD1	29.9405	44.9863	0.587387	0.0360613

PLCG2	2.71678	1.4856	-0.870852	0.0123712
DHX35	3.22751	4.02158	0.317342	0.512222
TMEM41A	7.8109	9.89545	0.341278	0.379543
TAF1D	32.5562	23.189	-0.489488	0.106011
PCSK6	5.28917	5.42708	0.0371336	0.97713
RIMS3	0.678882	0.722151	0.0891395	0.945857
WWC2	0.750475	0.950598	0.341031	0.610939
ZMIZ2	12.0084	13.5065	0.169616	0.760476
NAA25	4.32725	6.27788	0.536826	0.0603207
POLM	5.98162	5.70756	-0.0676625	0.952163
CXorf57	1.27407	0.669359	-0.928589	0.0243026
HELB	0.362328	0.30872	-0.231	1
AVL9	3.92935	2.29597	-0.775185	0.0379922
USP19	7.58039	7.82105	0.0450903	0.964442
STX2	3.26991	5.09029	0.638496	0.0460785
CAND1	14.9128	21.8749	0.552728	0.0471668
BOD1L1	0.65361	0.863756	0.402193	0.354501
SUN2	15.7477	12.7203	-0.308013	0.426068
DMXL1	0.647585	0.409595	-0.66087	0.0784883
EEF2	2272.27	1810.57	-0.32769	0.46286
TCP11L2	0.500441	0.149201	-1.74594	0.0294837
RNF144A	1.6628	1.01902	-0.706429	0.0541611
NELFA	33.3812	32.9313	-0.0195744	0.983334
RPS27A	1775.6	1957.35	0.140593	0.836734
SARM1	0.645217	1.00688	0.642035	0.732319
ARHGEF40	2.21169	3.00481	0.442126	0.284028
THAP8	2.60347	1.62015	-0.684308	0.224366
PDGFA	5.73846	6.77537	0.239636	0.697857
CHRNE	3.40167	3.44412	0.0178952	0.996773
METTL23	22.5584	11.9976	-0.910921	0.00572929
ZNF763	0.721392	0.389798	-0.888057	0.108871
LOC100288911	9.09897	5.47735	-0.732225	0.147146
ZC3HAV1	5.35881	10.0278	0.904025	0.00153868
PKN2	3.63416	3.37697	-0.105892	0.891309
CLCF1	5.73361	6.82584	0.251564	0.856217
EIF2A	18.0766	15.7022	-0.203162	0.667588
RASGEF1B	0.0307864	0.0275255	-0.161525	1
SGK223	2.3174	3.52114	0.60354	0.114535
CENPF	4.12418	4.7321	0.198373	0.693923
MIER1	5.54875	5.57616	0.00710834	0.994593
C17orf76-AS1,SN	1338.19	1172.4	-0.190825	0.739268
ZNHIT3	71.1993	66.1957	-0.105125	0.922388
GPAT2	0.0902759	0.0561458	-0.685162	1
SPDYE3	0.26863	0.290183	0.111341	1
METTL10	2.8702	2.76872	-0.0519335	0.96692
CFL2	12.5732	9.83703	-0.354059	0.308846
DSG2	9.30706	5.7165	-0.703194	0.00478151
PCGF3	4.33357	4.43342	0.0328644	0.97562
KREMEN1	2.29238	1.66478	-0.461516	0.249115

ZCCHC6	2.4753	2.49524	0.0115758	0.993157
ZNF696	5.77202	9.27408	0.684128	0.0143403
RASSF4	3.45989	2.44464	-0.501103	0.263581
LAMB1	15.4027	9.55461	-0.688917	0.0103919
NSMCE2	20.2805	13.4217	-0.595531	0.0403493
IFIT5	2.74957	5.19162	0.91698	0.00274688
RBM27	2.54005	3.08923	0.28239	0.529976
SLC38A5	164.005	192.313	0.22972	0.606334
LOC100128338	10.2475	7.36111	-0.477275	0.149433
NLN	3.20781	3.70908	0.209471	0.679281
ETS1	22.5435	17.1013	-0.398604	0.220205
NUF2	10.0866	7.90302	-0.351958	0.379534
GIN1	1.01562	0.897107	-0.179007	0.853105
METAP1D	0.918325	0.930828	0.0195089	0.994068
NEURL2	1.89301	1.20484	-0.651843	0.923594
ABHD15	5.38608	6.7488	0.325396	0.454341
GID8	14.0545	12.54	-0.164494	0.76946
LTK	37.8278	29.6292	-0.352424	0.315656
PTAFR	0.0342147	0.115048	1.74955	1
DGCR6	21.0125	18.0633	-0.218191	0.722516
LEPR,LEPROT	6.37974	5.45211	-0.226683	0.881709
COA5	8.37386	6.82406	-0.295262	0.545218
FLJ27354	0.672782	0.30896	-1.12272	0.384403
SMEK1	9.80455	12.875	0.393045	0.224437
ARID4B	1.15126	1.31187	0.18841	0.786222
ZNF577	0.330619	0.355971	0.106592	1
ZNF148	1.65218	1.74494	0.0788022	0.931292
IRF1	2.67392	5.27429	0.980019	0.00153868
DSE	2.67984	2.73991	0.0319817	0.978818
RPLP0	6837.98	6558.34	-0.0602401	0.95448
TAF1	1.8617	1.80852	-0.0418088	0.994116
RPL27A	382.022	402.616	0.0757481	0.934265
DLX4	0.710794	0.261815	-1.44089	0.0525851
SH3BP1	19.3341	23.1926	0.262516	0.551968
PTH1R	5.60176	1.34973	-2.0532	0.00153868
SPR	64.3123	116.074	0.851874	0.00153868
AP3S1	40.7417	40.6421	-0.00353024	0.997552
TUFT1	10.7864	4.51048	-1.25786	0.00153868
RPL18	3287.65	3577.36	0.121839	0.872122
LONP2	12.6411	10.0178	-0.335559	0.447327
KLHL12	8.99058	5.62153	-0.677452	0.0130226
MARK4	10.8272	8.10195	-0.418314	0.197192
BST2	321.307	494.87	0.623096	0.0143403
FBLIM1	0.453056	0.23272	-0.961097	0.274812
RALBP1	13.9407	12.1277	-0.200989	0.680526
CHD1	2.77305	4.11812	0.57051	0.0533774
LINC00628	0.0385089	0.112773	1.55016	1
CAST	30.6674	20.7016	-0.566967	0.0782684
ARID2	1.56858	1.79233	0.19237	0.757708

HPS6	15.9113	26.775	0.750833	0.00274688
SMN2	2.19521	2.93724	0.420106	0.456161
CDC16	24.1221	23.8164	-0.0183984	0.985692
PRX	1.3206	1.00287	-0.397065	0.524638
MED9	8.24418	11.0482	0.422365	0.260553
BLOC1S4	22.1488	30.6539	0.468843	0.148853
BET1L	19.629	21.3755	0.122974	0.852271
DCAF10	2.49267	1.20992	-1.04278	0.00153868
ZNF592	2.95524	2.80674	-0.0743795	0.935507
KLHL42	2.95387	3.40638	0.205632	0.703945
ADM	49.3613	52.5584	0.0905411	0.907653
RACGAP1	13.5659	12.1046	-0.164431	0.772699
ARL5A	11.216	14.371	0.357593	0.312032
PTAR1	1.36711	1.18239	-0.209421	0.721553
NTAN1	22.0048	20.8368	-0.0786793	0.930048
GLTPD1	19.3449	28.7145	0.569821	0.0537703
ANKRD23	1.43432	2.21602	0.627598	0.216201
TGDS	5.20766	5.62709	0.111752	0.89785
EPS15	5.49073	4.13094	-0.410526	0.241813
MARCH6	8.52036	7.47177	-0.189465	0.704317
TP53BP1	2.73918	2.67081	-0.036468	0.98652
MED11	20.9563	23.9407	0.192078	0.930948
GUCD1	19.0645	25.6691	0.429147	0.15801
AFMID	17.065	17.8181	0.0623039	0.954981
PLA2G12A	3.51203	4.44862	0.341055	0.37853
C1orf115	2.76481	2.1611	-0.355412	0.512798
ADAM11	2.02732	1.95104	-0.0553302	0.966307
PLA2G6	2.26729	0.905825	-1.32366	0.00380811
FER	0.798684	0.659421	-0.276425	0.765218
PUSL1	37.0785	63.5392	0.777063	0.365594
ANKIB1	2.39524	1.99375	-0.264689	0.601833
VWA1	4.55429	5.0273	0.142558	0.862406
PSRC1	24.2864	33.6649	0.471099	0.136049
METTL18	4.28521	4.09921	-0.064019	0.956393
RPS5	4693.16	5087.35	0.116355	0.880021
NUPL1	8.96083	9.98544	0.156195	0.785865
RPL23A	2272.66	2374.48	0.0632292	0.948304
RFX1	2.64535	2.55996	-0.0473331	0.973295
C9orf37	5.08031	6.59714	0.376924	0.907892
CERKL	0.0264148	0.00650025	-2.02278	1
GALM	4.65587	2.82764	-0.719451	0.0442243
IGFBP6	223.261	225.493	0.0143503	0.990368
C11orf1	16.2536	11.6297	-0.482945	0.279083
ESD	55.9949	46.9604	-0.25385	0.548453
STX6	5.10084	8.02006	0.652878	0.0169799
CNOT7	25.1925	27.2169	0.111507	0.872122
IL6R	2.26846	3.12955	0.46424	0.21791
PACS2	8.64084	8.31583	-0.0553109	0.975928
SCARNA5	1.90434	1.09509	-0.798244	0.935543

PLEKHO2	4.53312	5.85658	0.369554	0.368148
MAP3K3	3.74178	5.24292	0.486644	0.45742
TLL2	0.018348	0.0311063	0.761582	1
ZNF630	0.411509	0.224162	-0.876384	0.196141
ATG9B	1.18488	0.929954	-0.349515	0.865084
BAZ2A	8.74172	9.64099	0.141264	0.869345
DOCK6	10.7498	7.79381	-0.463907	0.124445
RUFY3	1.89751	2.36479	0.317606	0.517284
CEPT1	9.96915	11.1885	0.166475	0.881798
NDUFA10	18.8777	18.6643	-0.0164044	0.987173
MTMR10	2.06026	1.88403	-0.129008	0.926184
LOC440300	0.13837	0.123214	-0.167366	1
RCOR1	4.86042	6.26962	0.367297	0.303477
PCCB	75.6025	60.0254	-0.332861	0.345145
ATPAF2	10.6947	10.9573	0.0349928	0.975928
INO80D	0.488043	0.453531	-0.105809	0.917228
MTMR1	3.09464	4.10994	0.409348	0.343575
DDX12P	2.92291	3.72872	0.351275	0.46089
ZEB1-AS1	3.13914	1.69753	-0.886932	0.0176564
ELK3	9.8792	8.99103	-0.135909	0.857249
UBE2R2	14.8342	13.796	-0.104678	0.884031
ASTN2	2.77685	0.893131	-1.63651	0.317796
NADSYN1	27.9683	26.8299	-0.0599528	0.946021
FAM179B	0.639769	0.725382	0.18119	0.840853
ZFP62	2.22322	2.02438	-0.135171	0.872122
DENND4A	1.04535	0.967223	-0.112066	0.907121
C2CD5	3.62421	3.31418	-0.129016	0.865047
CACNG8	0.140471	0.119749	-0.230258	1
RBFA	4.91885	6.39847	0.379404	0.282517
LSMD1	44.5641	67.9009	0.60755	0.289501
PLEKHG3	9.9313	11.3053	0.186941	0.731905
PVT1	28.6977	29.5845	0.0439065	0.964913
GALNT12	8.05264	4.77978	-0.752517	0.0123712
ZNF684	0.89504	1.2789	0.514876	0.400688
ATXN7	1.50269	1.29862	-0.210566	0.757708
KIAA1522	11.8121	9.13704	-0.370463	0.320464
SLC30A9	14.5833	10.6846	-0.448782	0.148406
ATG12	8.37347	7.12699	-0.232532	0.611201
CCDC149	1.13549	0.56463	-1.00793	0.020985
LPPR2	16.197	23.6587	0.54664	0.0685533
FBXO34	4.28186	3.56326	-0.265038	0.611201
C3orf33	3.49216	3.19357	-0.12895	0.890133
FCER1G	0.662427	0.43438	-0.608805	0.749043
SOCS5	1.66806	1.94205	0.219408	0.736853
LOC100271722	2.09291	0.968279	-1.11201	0.0253664
MAST2	17.4084	20.483	0.234643	0.582102
PHKA2	3.55989	2.88175	-0.304888	0.502454
ASPH	43.4994	40.4111	-0.106243	0.885805
MEFV	0.041707	0	#NAME?	1

MSI2	4.78187	3.11313	-0.61921	0.173695
HMGXB4	4.11016	2.94693	-0.479982	0.171388
PPIP5K1	4.14694	3.50114	-0.244221	0.848653
PRSS12	1.29606	0.875382	-0.566146	0.210405
SMAD2	4.82884	4.09422	-0.238088	0.592657
TMEM255A	0.0184035	0.0168551	-0.126795	1
PFDN4	25.5501	22.359	-0.192473	0.722665
C6orf195	0.109019	0.17075	0.647308	1
ZNRD1	85.8434	108.364	0.336108	0.352576
MTF2	5.23818	6.14718	0.230858	0.638482
FBXL16	21.5146	23.8466	0.148467	0.809647
NPHP4	2.43918	2.40619	-0.0196452	0.995202
OPN3	0.214224	0.104767	-1.03194	1
DGCR8	5.09446	16.0411	1.65478	0.00153868
PTPN23	6.44918	6.49283	0.0097326	0.994068
LOC100506963	2.86542	2.45609	-0.222381	0.925922
MED13L	1.36349	1.0705	-0.349013	0.44073
ADSSL1	1.98378	1.14455	-0.793475	0.14417
HEATR5B	1.69584	1.3297	-0.350902	0.446551
CLHC1	0.386157	0.277145	-0.478544	0.939583
CD44	74.5326	63.151	-0.239066	0.590304
CRIPAK	1.1204	1.01305	-0.1453	0.890806
RC3H2	2.74553	2.97629	0.116429	0.897319
MED13	2.27892	2.03475	-0.163497	0.790213
BDNF-AS	0.315263	0.112357	-1.48846	1
ERMAP	1.77709	1.11006	-0.678877	0.303067
DIP2B	2.64816	2.55592	-0.0511507	0.958829
APPBP2	2.7616	2.35771	-0.22812	0.6565
GNAI2	51.7181	56.8394	0.136222	0.819558
ALG9	3.40382	2.86809	-0.247067	0.6172
C1R	0.41261	0.278829	-0.565399	0.597911
ARHGGEF12	4.62588	4.48988	-0.0430507	0.964628
MTM1	0.729755	0.642905	-0.182806	0.870063
HIAT1	11.226	14.2632	0.345453	0.332923
ZNF583	0.854317	1.07631	0.333247	0.66669
RCAN2	0.029249	0.0147061	-0.991974	1
INPPL1	14.7408	14.3251	-0.0412689	0.967296
TTC9B	1.32127	0.453412	-1.54303	0.208122
GPSM1	46.4725	53.9089	0.214148	0.676734
TTC25	0.0691908	0.0186707	-1.88981	1
RPS6KA1	18.1542	28.2794	0.63945	0.0137404
CTAGE9	0.044599	0.0538948	0.273136	1
CCNB1IP1	142.276	105.019	-0.438044	0.160804
PSME1	154.669	183.15	0.243838	0.612746
HSD11B2	8.37465	11.7871	0.493112	0.211701
ACO1	13.3708	12.8107	-0.0617459	0.943388
KCMF1	9.16414	8.19582	-0.161112	0.771216
VN1R1	0.277642	0.509464	0.875756	0.352132
EXOC1	5.39763	3.03184	-0.832132	0.00572929

RRAS2	16.7742	16.776	0.000152284	0.99971
ALG13	3.92508	4.19521	0.0960223	0.915693
KIAA1598	3.13896	2.68577	-0.224949	0.688049
SZRD1	37.9642	58.592	0.626064	0.0187307
EHD4	12.9466	16.6213	0.36046	0.317796
SETDB1	3.92222	3.28767	-0.254605	0.690264
SF3A1	19.261	19.2832	0.00166306	0.999201
GPBP1L1	12.5452	11.9921	-0.065052	0.940466
FAM81A	0.500723	0.847599	0.759371	0.13182
ZNF765	0.929989	1.15058	0.307074	0.625783
ALKBH7	61.5239	58.6612	-0.0687402	0.93855
PPIL3	12.4665	8.97356	-0.474308	0.200395
RRAGC	11.3395	7.997	-0.503823	0.0933464
STK32C	9.16053	6.54268	-0.48555	0.241705
DUSP19	0.424902	0.254695	-0.738357	0.201718
RAB9A	11.3911	12.2427	0.10401	0.903614
AZIN1	25.8699	30.53	0.238954	0.57283
OPA1	7.97427	8.66728	0.120228	0.861774
SLC20A1	8.26607	12.4028	0.585387	0.0374759
CD68	382.966	323.979	-0.241317	0.592657
NR1D2	3.09272	1.75241	-0.819532	0.00572929
INTS1	18.6915	22.2899	0.254006	0.551958
LCA5	0.245241	0.156484	-0.648187	1
RPL10	1705.25	1629.42	-0.0656247	0.950999
FAM160B2	17.2166	18.2376	0.0831199	0.916473
ZCCHC7	9.09661	6.2187	-0.548716	0.0625465
LOC100507577	0.383285	0.468933	0.290964	0.964843
IFITM2	522.971	615.455	0.234921	0.614163
RBMS2	7.03908	4.35025	-0.69429	0.179887
NEIL2	20.8028	22.4983	0.113038	0.873701
PPTC7	1.10411	1.34294	0.28251	0.687955
SRSF5	71.0551	70.859	-0.0039871	0.997191
LIMA1	3.70221	4.58545	0.308676	0.497888
ARFIP2	9.22501	18.0843	0.97112	0.0103919
MGST2	60.2553	44.6273	-0.433161	0.220227
IFNE	0.0833302	0.063577	-0.390335	1
CDADC1	1.46576	1.51385	0.0465788	0.975492
SUGT1P3,TPTE2I	0.276537	0.277926	0.00722609	1
TRIM23	1.57859	1.66763	0.0791688	0.961236
CIT	3.39045	1.84567	-0.877332	0.0215444
CKAP2	12.3522	11.9798	-0.0441529	0.96385
HEBP1	57.8401	44.9612	-0.363391	0.290633
RASAL2	0.747822	0.762668	0.0283613	0.981441
FLNC	0.0149944	0.0404881	1.43307	1
LRRC23	6.31326	3.70685	-0.768192	0.0420136
TRAPPC11	5.05971	3.43555	-0.558514	0.0561838
ZNF69	2.36422	2.4567	0.0553615	0.970185
RPL5	2186.82	2264.97	0.0506591	0.961132
UBTD2	6.26195	6.7779	0.114228	0.879418

BTN3A2	6.54742	5.77937	-0.180014	0.772699
GLG1	15.7189	12.0654	-0.381627	0.228324
AKT2	14.4969	20.9748	0.532914	0.0564873
TBC1D1	14.6319	12.0707	-0.277604	0.521259
HEXIM1	11.6974	20.3053	0.795665	0.00153868
SPOPL	1.26343	1.25005	-0.0153573	0.991515
NLK	2.4588	3.7569	0.611592	0.0732377
RFC1	6.56734	5.26175	-0.319766	0.402378
NFYA	3.37081	4.96492	0.558677	0.0519269
PHYHIP	0.159262	0.04216	-1.91745	1
FUT4	2.95061	5.89824	0.999274	0.00153868
GNE	2.1465	2.05454	-0.0631754	0.95238
TAF1A	2.96421	4.54664	0.617153	0.114535
IDH1-AS1	0.816439	0.539799	-0.596925	0.774294
GSE1	4.84333	3.35635	-0.529107	0.0832671
LOC100288432	0.245531	0.882599	1.84586	0.339765
TOB2P1	0.774983	0.639438	-0.277361	0.778819
SEPT7	17.3974	18.6023	0.09661	0.895686
ARMCX1	0.0936266	0.0621686	-0.590731	1
IRAK2	0.825171	1.05012	0.347785	0.653218
LOC100130987	0.896294	0.813885	-0.139147	0.979338
FAM57A	24.129	27.7614	0.202312	0.691637
RUNX1	7.10512	5.2223	-0.444173	0.241921
HSD11B1L	1.09121	1.05451	-0.049358	0.995202
C21orf90	0.619366	0.626104	0.0156091	0.995209
RPSAP58	48.5837	46.2038	-0.0724601	0.929057
VPS13C	1.21109	0.772207	-0.649244	0.0370145
DIDO1	5.07795	5.90708	0.218199	0.756508
COTL1	220.836	275.569	0.319439	0.389111
CLCN5	0.592107	0.646088	0.125873	0.916694
CNOT3	15.4758	14.1699	-0.127177	0.869473
WDR90	5.95103	6.68957	0.168775	0.801756
ACTR8	3.28817	3.20487	-0.0370199	0.974348
MSL1	5.30294	8.62364	0.701503	0.0117316
MRPL43	78.7196	87.3843	0.15065	0.839406
NPHS1	0.0361775	0.0246492	-0.553549	1
RPSA	3901.26	3905.99	0.00174806	0.999122
RPLP2	6551.2	7295.87	0.15532	0.809839
PAK2	10.609	12.1156	0.19158	0.701714
ZNF204P	1.17581	1.15753	-0.0226003	0.989044
REST	3.77994	3.53396	-0.0970788	0.901751
ARAP3	5.74801	6.6856	0.217993	0.669949
NSUN4	6.33362	6.15655	-0.040907	0.969418
FARS2	7.48034	7.12858	-0.0694889	0.948304
DYNC111	0.0929171	0.111857	0.267633	1
FN3KRP	16.4042	15.1714	-0.112706	0.879418
SEC24C	9.71509	12.2655	0.336311	0.353107
PEX11B	11.3085	10.8585	-0.0585912	0.954143
GUK1	248.849	309.081	0.312713	0.419248

ASAP3	5.16498	5.14539	-0.0054831	0.996522
SUCLA2	6.88096	8.86696	0.365829	0.348144
FAM86JP	1.18082	0.382212	-1.62735	0.0192959
ARPP19	15.3506	20.766	0.435931	0.15329
ABCA17P	0.0802937	0.111231	0.470204	1
NEDD4L	7.59112	5.33712	-0.508251	0.0784883
PTK2	24.381	24.4558	0.00441605	0.996948
LOXL1	5.8801	5.34296	-0.138201	0.926279
ATG10	1.88705	1.03065	-0.872577	0.0338188
PHKA1	5.52781	5.14988	-0.102171	0.894373
CCDC150	0.933066	1.36769	0.551692	0.220227
NBPF3	4.37787	4.92247	0.169153	0.794882
FTL	9119.95	9649.74	0.0814643	0.934861
SPATA5L1	9.8112	11.2993	0.203734	0.720363
PEX13	3.25577	2.81835	-0.208148	0.739662
PRPF18	9.4377	10.969	0.216931	0.689533
WWOX	4.89018	6.18048	0.337831	0.682291
MED12	2.99476	1.9914	-0.588656	0.0660778
LRP4	1.21275	1.49005	0.297083	0.578405
FSBP,RAD54B	3.41214	4.23191	0.310631	0.513296
TTL5	2.36077	1.96135	-0.267411	0.637192
LOC646719	2.07883	2.07618	-0.00183881	0.999048
ARRB2	84.8766	80.4825	-0.0766906	0.922996
STK25	69.5947	92.4667	0.409955	0.202575
SOS1	1.62903	2.07124	0.346486	0.382784
NOTCH2NL	5.33577	4.47424	-0.254055	0.581347
TNIK	5.67144	5.26638	-0.106904	0.957014
AHNAK	15.5709	13.565	-0.198958	0.871443
CCDC126	1.06954	0.883076	-0.276375	0.754905
LCAT,SLC12A4	20.4605	17.7392	-0.205901	0.773721
PRDM2	2.00878	2.2469	0.16162	0.87667
B3GNT1	10.3938	16.5454	0.670702	0.0280907
TIFA	5.58256	6.17402	0.145283	0.826967
SND1	82.8155	65.7475	-0.332965	0.349063
DCTN3	87.1222	89.7121	0.0422632	0.964843
C7orf53	0.475202	0.918804	0.951216	0.158977
ARHGEF37	0.485419	0.198933	-1.28695	0.0150346
MIR497HG	1.08809	1.03493	-0.0722663	0.994593
PRKX	4.98487	5.79814	0.218035	0.665451
GNPTG	18.8071	24.9979	0.410528	0.419968
MYRF	3.60395	3.25015	-0.149074	0.837596
ARL2BP	32.8278	43.4863	0.405642	0.194348
LIMCH1	1.55612	1.32082	-0.23652	0.700208
SPRY2	5.58697	6.19613	0.149301	0.847872
GEMIN8	6.86475	4.46954	-0.619082	0.0568637
NARG2	2.09193	1.96301	-0.0917671	0.918453
RPL8	10962.4	11850.9	0.112435	0.900608
PIGV	4.62647	2.157	-1.10088	0.00153868
PRUNE	4.7871	5.43354	0.182739	0.77615

TUBB3	78.8847	109.3	0.470478	0.129159
TRAF6	1.4545	1.40827	-0.0466014	0.967296
NAT10	28.4161	35.9556	0.339509	0.334695
MORC2-AS1	0.954596	1.58236	0.729116	0.623184
NDUFV3	27.3238	27.5896	0.0139625	0.991446
FAM46A	0.32776	0.5249	0.679404	0.205688
RAB3B	2.74534	2.40809	-0.189095	0.72175
CYFIP2	8.78567	6.82955	-0.363362	0.285216
HOMER1	0.853534	1.22482	0.521045	0.273369
RC3H1	1.14644	1.42194	0.310702	0.498082
TBKBP1	5.50144	6.60904	0.264632	0.61138
NOC3L	7.59768	8.97696	0.240668	0.607406
AACS	9.30939	11.6002	0.317392	0.424027
LOC254128	1.55791	1.40457	-0.149482	0.983243
SASH1	0.990157	0.546204	-0.858216	0.0313688
CUL9	2.01716	1.33373	-0.596857	0.093011
TAB3	1.60409	1.41233	-0.183673	0.785209
RARB	0.0730591	0.0631231	-0.210896	1
RPL14	2888.54	2984.03	0.0469178	0.964628
ZRANB1	3.75897	3.42862	-0.132709	0.854474
PAPD7	9.14892	12.7746	0.481604	0.12051
ZNF286B	2.29436	2.91783	0.346805	0.413848
THAP1	5.7426	6.36475	0.148399	0.848628
CTR9	7.86316	10.2833	0.387118	0.238719
LOC285033	1.36614	1.60436	0.231892	0.967343
LOC149134	1.33307	0.853582	-0.643153	0.452674
DBT	1.19128	1.10647	-0.106552	0.895345
MOCS3	4.75246	4.95029	0.0588381	0.954535
LOC729013	7.00126	3.6113	-0.955094	0.0123712
TIMP2	6.49373	4.69822	-0.466934	0.191747
AHCTF1	2.02704	3.10253	0.614071	0.0215444
EHMT2	20.4506	21.9631	0.102938	0.886208
TRPM4	7.58479	4.89774	-0.630994	0.0508243
CAPZB	81.6323	104.741	0.359612	0.282517
DENND4B	9.94914	8.75845	-0.183895	0.732699
CISD3	13.294	18.0663	0.442526	0.612746
TIMM21	14.3	22.7431	0.669412	0.0130226
PARD6A	13.183	12.052	-0.129413	0.886331
PITPNC1	5.99211	4.5812	-0.38734	0.242418
AGTPBP1	4.41884	2.53998	-0.798847	0.00478151
ABI1	15.1307	12.7367	-0.248493	0.638064
PPM1D	1.83993	1.9274	0.067003	0.952184
ESRP2	9.51288	19.9279	1.06683	0.00153868
POFUT2	7.99599	8.73316	0.127227	0.864982
XIAP	2.17988	1.88223	-0.211804	0.716687
KCTD2	6.84723	10.6932	0.643101	0.0215444
CPSF1	29.0238	33.1335	0.191056	0.759631
FBXL4	3.07527	2.25013	-0.450709	0.306194
C6orf211	4.86134	4.96504	0.0304513	0.978818

KDM5B	5.94742	5.83526	-0.0274667	0.978818
PRR24	20.4144	21.6275	0.0832787	0.948523
LAMA5	2.90765	4.0879	0.491507	0.2463
MPC2	13.6975	14.2421	0.05625	0.9636
ZFP106	3.43472	3.78005	0.138213	0.824446
ATG16L1	4.45323	7.23465	0.70007	0.0280907
MVD	27.6258	41.7908	0.597171	0.0355697
CDCA7	17.7601	24.1365	0.442579	0.151906
PCID2	26.5664	26.0288	-0.0294943	0.97664
MEX3A	4.82714	5.95619	0.30322	0.457862
OAT	45.0358	55.1166	0.291415	0.447327
P4HB	363.391	353.907	-0.0381525	0.969699
CYTH2	17.7795	10.6618	-0.737762	0.00153868
CDKN2B	3.03301	7.35838	1.27864	0.00153868
LOC344595	0.758586	0.959538	0.339027	0.646322
ATP2C1	13.821	13.6696	-0.015895	0.989688
SRP68	37.236	45.854	0.300349	0.45245
FANCG	14.285	13.1101	-0.123818	0.864624
VCIPI1	2.22173	2.11094	-0.0738011	0.935437
PCNXL4	10.902	5.33218	-1.03179	0.00153868
NKAP	17.7298	12.1963	-0.539737	0.0864363
ARSA	7.25713	6.2046	-0.22606	0.673957
PSMD5	16.7582	22.1182	0.400366	0.197192
PHF11	8.23562	4.70903	-0.806447	0.0103919
NET1	6.87253	9.55215	0.474984	0.104824
FHL1	0.073376	0.142784	0.960454	1
PLEKHG4	4.31966	2.56884	-0.749799	0.024868
ZBTB43	3.94751	2.9032	-0.443297	0.19932
METTL8	2.37749	3.00643	0.338615	0.509882
MAGED2	32.4795	30.0936	-0.110073	0.875961
PRKAR2A	1.08274	1.33145	0.29831	0.73105
ZNF233	0.332908	0.19861	-0.745186	1
EXD2	3.91527	3.47558	-0.17186	0.790722
AP1G1	5.42797	6.48814	0.25739	0.541415
BRE	31.9086	17.9969	-0.8262	0.00153868
CGREF1	18.9931	16.7372	-0.182415	0.836427
TOMM20	55.924	57.9956	0.0524745	0.952355
DNAAF2	6.75867	9.55454	0.499447	0.152514
PRPF40A	10.17	11.6941	0.201465	0.66973
VN1R5	0.0334096	0.0596133	0.835371	1
FKBP10	122.756	106.743	-0.201652	0.681951
PTGES3	164.259	294.577	0.842677	0.00153868
RPS7	4150.07	4352.59	0.0687376	0.941835
WHSC1	9.14852	8.88425	-0.0422882	0.966727
SH2D3A	5.61853	4.5208	-0.313617	0.59533
RPUSD3	61.7221	31.1677	-0.985737	0.00153868
RBM7	10.087	9.74526	-0.0497248	0.961082
SLC35F1	0.0109478	0.0104943	-0.0610422	1
FAM45A	6.85874	5.61976	-0.287434	0.530442

PPAT	7.0625	12.0713	0.773333	0.00153868
RPS2	11566	11766.1	0.0247393	0.983243
CGGBP1	7.10972	6.1827	-0.201554	0.774988
PTRF	56.7181	93.7034	0.724294	0.00659556
CALR	396.836	696.551	0.811687	0.00274688
ZFAND5	12.094	12.8484	0.08729	0.906633
KXD1	122.972	122.062	-0.0107189	0.992831
LOC100506207	0.17595	0.109179	-0.688472	1
WDR5B	1.01312	1.09295	0.109422	0.92475
KIAA0930	10.5793	17.0276	0.686626	0.00380811
RARA	8.74574	10.6832	0.288693	0.533447
UNC5B	1.97134	2.19033	0.151971	0.849881
FZD4	0.834748	1.10665	0.40679	0.40075
AES	174.937	189.933	0.118651	0.8626
PFN2	44.3831	44.9247	0.0174986	0.985712
UBAP1	17.386	16.6726	-0.0604498	0.951036
DMTF1	3.30347	2.19599	-0.589109	0.360949
CAPG	123.84	105.375	-0.232938	0.606595
N6AMT2	7.99047	11.507	0.526159	0.207194
PBK	23.1154	21.7036	-0.0909191	0.907121
SHPK,TRPV1	4.3163	7.32372	0.762782	0.0137404
MADD	5.44031	5.57295	0.0347503	0.974348
NKAIN1	1.90457	2.92475	0.618846	0.169436
PHF19	64.8113	116.737	0.848944	0.0156935
SEMA3F	5.43214	5.95024	0.131429	0.865674
SKP2	7.74064	12.9381	0.741103	0.0515699
RAD21	52.6474	47.9973	-0.13341	0.828851
PP7080	12.1666	13.9987	0.202367	0.730432
CXorf40B	14.7628	18.632	0.335813	0.416867
TBK1	6.43622	6.95365	0.111557	0.880357
RAB40B	12.1027	16.5427	0.450869	0.203128
YTHDC1	4.8985	4.90531	0.00200571	0.998593
ODF3B	10.7829	4.39118	-1.29606	0.00970147
PHF17	5.92118	6.89581	0.219836	0.665087
TYSND1	14.3339	9.2344	-0.634341	0.0259174
ZSCAN9	6.00031	5.37924	-0.157635	0.845519
CYP51A1	25.7066	28.147	0.13084	0.835372
IARS2	26.5641	21.3981	-0.311996	0.715689
DNAH6	0.0292098	0.013777	-1.0842	1
ZNF491	0.252239	0.182357	-0.468027	1
SON	11.8757	16.9875	0.516465	0.0647668
ELAVL1	15.5302	21.0482	0.438619	0.145411
CRTC1	3.50604	2.82087	-0.313701	0.500234
HNF4G	0.495763	0.354045	-0.485718	0.489185
PURA	3.65082	7.85152	1.10475	0.00153868
POM121	10.3388	13.302	0.363576	0.428973
WDR55	16.8585	25.2419	0.582347	0.0584523
USP38	2.8124	3.39128	0.270026	0.578405
TDRKH	1.91076	1.16547	-0.713234	0.0923379

ZNF283	1.68273	1.63313	-0.0431632	0.975492
RYK	17.0182	18.9228	0.153047	0.794475
RPL35A	3993.9	3957.15	-0.0133354	0.991515
PPP2R5C	33.6728	25.1681	-0.41999	0.260223
KRTAP5-9	0.182654	0.0885466	-1.04461	1
ESRG	0.0937588	0.103342	0.140404	1
ANKFY1	3.59964	5.35453	0.572909	0.0420136
ANGEL1	6.07636	5.09545	-0.253997	0.608864
RNF130	47.6634	39.9852	-0.253417	0.547227
KLHL9	7.14443	8.65674	0.277004	0.503694
PUS7L	2.15952	2.08795	-0.0486253	0.96875
NCOA4	49.5677	37.047	-0.420045	0.172285
TBCD	11.6781	12.8824	0.141588	0.818547
NUP210L	0.0109761	0.0173981	0.664567	1
HRC	0.0177026	0.0119749	-0.563947	1
FAHD2B	18.0428	11.6641	-0.62935	0.0442243
PBXIP1	6.92648	2.59772	-1.41487	0.00153868
GATAD1	13.3575	9.06075	-0.559951	0.0388971
SEC62	8.39892	9.49418	0.176839	0.736853
LOC100505876	9.94894	8.338	-0.254842	0.765218
YAP1	10.8442	10.647	-0.026474	0.978818
ANKRD28	3.66244	3.16386	-0.211116	0.677165
ANKRD49	4.86608	4.06429	-0.259756	0.659814
MORF4L2	65.7202	93.749	0.512468	0.0685533
SMAD5	3.43546	4.11234	0.259458	0.560895
FAM122A	2.48512	2.96693	0.255658	0.670859
ZNF155	1.52337	1.3856	-0.136753	0.896324
GORASP1	8.48596	10.1421	0.257205	0.575157
DAB2	0.0172855	0.0164549	-0.0710475	1
PSME4	8.57851	9.98488	0.219019	0.633194
CLU	37.2105	37.4503	0.00926805	0.994068
IFNGR1	6.62471	5.27761	-0.327971	0.467566
LACC1	0.954482	0.712119	-0.422598	0.52407
LRRC4B	0.862283	0.273564	-1.65629	0.0304296
TOP2A	9.61848	8.23291	-0.224406	0.629512
PUS3	9.1531	11.4168	0.318827	0.561575
KIAA0391	14.1863	13.5908	-0.0618754	0.952184
PPAP2B	0.485506	0.500173	0.0429389	0.981543
SPAG7	35.8301	37.7439	0.0750716	0.934204
ZBTB46	2.04159	2.03673	-0.0034409	0.999234
ICAM2	4.00934	3.97123	-0.01378	0.994204
TADA2B	5.08095	5.53637	0.123844	0.94805
DCP1A	2.86942	2.87341	0.00200227	0.998858
MICU1	27.0443	18.8358	-0.521847	0.070901
B2M	700.261	707.15	0.0141238	0.990368
HEXIM2	5.33848	3.80764	-0.487532	0.379394
NUFIP2	4.25076	5.35567	0.333345	0.339765
GUSBP11	3.82505	3.98405	0.0587574	0.960786
ZNF837	2.29461	1.56651	-0.550693	0.524921

LIN7C	5.28606	7.1627	0.43831	0.167611
OAZ2	32.4191	36.9734	0.189642	0.711442
CATSPER3	0.577361	0.701304	0.280566	0.86364
GON4L	1.89281	2.11959	0.163261	0.813026
FBXW8	1.61128	0.871132	-0.887245	0.0215444
KIAA1804	2.38795	3.41458	0.515938	0.12218
PLEKHA4	8.63354	4.5418	-0.926687	0.00274688
LGI2	0.0636561	0.069574	0.12825	1
GPR161	2.0921	2.49551	0.254384	0.60545
UHRF1BP1L	1.32707	1.04142	-0.349687	0.61138
TAF7	30.1395	38.019	0.335066	0.337839
FZD7	3.53148	2.62604	-0.427386	0.332823
POGK	12.4119	15.4876	0.319386	0.387336
AZI1	9.1106	7.39576	-0.300847	0.508463
FOXD2-AS1	2.62052	4.44616	0.762703	0.0584523
IRAK4	3.63375	2.33946	-0.635282	0.0467998
GATAD2B	5.22439	4.22062	-0.307808	0.426282
RSPRY1	2.26152	1.77521	-0.349302	0.597911
PRKCE	1.22877	0.889236	-0.466578	0.332486
ZADH2	6.34425	5.56927	-0.18796	0.725228
TBC1D22B	3.42067	2.93001	-0.223371	0.728284
VAT1	163.123	130.566	-0.321186	0.367402
PORCN	15.9735	14.4037	-0.149248	0.831614
RALGPS2	1.97073	1.09884	-0.842752	0.0111246
ADAT2	2.30791	3.05352	0.403884	0.271981
UNC45A	29.6729	33.3632	0.169112	0.785473
TMEM14A	21.3624	19.7086	-0.11625	0.880121
DPP7	320.915	361.998	0.17379	0.756508
FNIP2	0.288079	0.274424	-0.0700578	1
LOC151009,LOC4	3.48727	3.86012	0.14655	0.8709
CLNS1A	100.009	95.0229	-0.073781	0.931725
LPXN	1.49772	0.580598	-1.36716	0.00970147
ADAM15	95.4497	113.406	0.248683	0.608336
ZNF267	2.31259	2.11918	-0.126002	0.884031
ANO7	2.39046	3.12493	0.386537	0.454495
IPO5	26.2392	23.8411	-0.138277	0.817992
BLOC1S6	9.68328	8.61456	-0.16872	0.764196
SCARA3	9.57964	8.66628	-0.144558	0.824372
ENTPD3-AS1	0.129231	0.0844508	-0.613773	1
FAM111B	1.22825	2.7672	1.17182	0.00153868
C22orf32	23.7598	22.1864	-0.0988435	0.900997
DISC1,TSNAX	9.30805	9.01615	-0.0459672	0.964843
KIAA1737	3.05415	5.58633	0.871131	0.00153868
CAMK2N1	23.1094	16.8274	-0.457668	0.145411
NFATC3	3.55939	5.9823	0.74907	0.124445
FBXW9	10.0125	9.83193	-0.0262528	0.982623
GSTK1	122.259	108.693	-0.169678	0.752756
FBXW7	2.60255	3.01184	0.210721	0.736305
SGCB	3.08139	3.24237	0.0734657	0.93855

PLS3	10.5594	8.50316	-0.312461	0.421202
PNISR	5.84795	6.17743	0.0790763	0.930948
SHPRH	0.643701	0.839653	0.383402	0.769079
FAM22A	0.864029	0.673506	-0.359388	0.688922
C4orf52	26.9952	15.5934	-0.79177	0.00572929
CCDC39	0.0255261	0.0339064	0.409582	1
ESF1	2.55758	4.08825	0.676706	0.0304296
PLEKHA8P1	1.87875	1.92963	0.0385539	0.993157
CMTM3	53.6063	59.7605	0.156789	0.781269
VPS72	36.5822	38.231	0.0636021	0.944934
RPL13P5	0.735557	0.641499	-0.197389	0.939948
USE1	37.6478	32.0718	-0.23126	0.675228
WNK2	5.29961	7.09676	0.421274	0.237712
RASSF7	30.2097	44.3197	0.552933	0.064033
GNL3	62.5899	92.7983	0.568168	0.196771
MYL5	7.17678	7.32987	0.0304495	0.983462
TSTD2	4.62575	4.65922	0.0104026	0.996765
HMMR	1.57121	1.02287	-0.619254	0.161211
PHF15	3.22275	5.09876	0.661854	0.0192959
NABP1	19.9959	26.4476	0.403431	0.213961
LOC148413	8.63227	10.3131	0.256661	0.913887
ZNF268	1.50867	1.94471	0.366278	0.403473
FAM208A	4.36534	4.49797	0.043181	0.968459
LOC553103	0.222577	0.185678	-0.261506	1
ANKRD13C	1.77084	1.57079	-0.172945	0.808777
ZNF547	9.3185	8.26821	-0.172524	0.865645
PILRB	38.9576	43.8663	0.171206	0.829536
ZNF702P	1.58103	2.02075	0.354026	0.513296
CWC15	23.7111	22.4833	-0.0767073	0.92475
TMEM38B	10.9182	10.6828	-0.031435	0.97562
SNX27	3.03903	4.31782	0.506691	0.107753
ZNF646	2.18128	1.88738	-0.208787	0.838861
ABAT	1.48148	1.49599	0.0140676	0.992814
BTBD1	21.1534	23.2716	0.137684	0.824372
FLII	67.5726	60.5975	-0.157178	0.817763
SLC17A9	20.5734	32.4868	0.659075	0.0181648
MYO10	5.71299	7.32233	0.358057	0.296127
TMEM131	3.93166	3.87985	-0.0191384	0.985712
CWF19L2	1.60576	1.68605	0.0703936	0.952184
TTC21B	1.49795	1.24318	-0.268964	0.647419
OXA1L	160.51	144.117	-0.155424	0.783527
PTTG1	173.113	189.842	0.133084	0.838902
TRAK2	1.15137	1.8555	0.68845	0.0313688
ARHGEF9	1.91675	1.35405	-0.501385	0.230528
PAPD5	1.39316	2.38574	0.776076	0.00739414
RAB11FIP3	14.2027	20.6275	0.538408	0.0500215
CDT1	62.8454	31.408	-1.00067	0.00153868
SKP1	103.776	139.417	0.425935	0.16409
NSMAF	16.8135	19.9202	0.244611	0.557974

ZNF92	1.71457	1.36749	-0.326322	0.58104
MOB3C	4.6034	4.86665	0.0802302	0.934861
ZCCHC24	1.31831	0.934981	-0.495683	0.330706
PTGR1	72.4948	59.5332	-0.284181	0.460482
C6orf106	13.4043	17.1148	0.352556	0.297593
FAM213A	15.9604	14.4825	-0.140192	0.8361
BACE1	2.0742	1.85623	-0.160185	0.880754
WDR20	8.64536	10.1087	0.225594	0.667022
PPIL4	7.4391	7.69116	0.0480725	0.9634
AKAP13	1.46728	1.34122	-0.129593	0.871443
EPS8	2.09619	1.46992	-0.512031	0.211893
SSH3	18.0336	17.4322	-0.0489335	0.96009
FAM120AOS	16.9901	15.453	-0.1368	0.950787
ICAM3	9.09037	12.4593	0.454815	0.249373
GCC1	6.01366	5.98498	-0.00689798	0.994734
RPS16	5266.35	5216.98	-0.0135867	0.991446
DIS3L2	4.59535	4.64288	0.0148435	0.991167
SEPT1	0.827288	0.670469	-0.303219	0.973233
GMFG	0.300506	0.112905	-1.41228	1
ATXN7L3B	13.6649	17.4624	0.35378	0.310422
TBCCD1	1.84894	3.26826	0.821829	0.0280907
MAP3K5	0.664724	1.02762	0.628479	0.15801
ZCRB1	20.5868	15.9101	-0.371775	0.268716
CCS	34.2933	34.5044	0.00885337	0.994204
RNF138P1	0.0364038	0.0200288	-0.862015	1
TLK1	5.90117	5.62884	-0.0681649	0.937886
ZNF790	0.453408	0.621029	0.453849	0.674951
STX12	9.45967	8.54615	-0.146514	0.816068
SF3B14	251.979	321.868	0.353168	0.311296
DPY30	50.5867	49.4288	-0.0334063	0.974348
LPAR2	12.1121	11.1083	-0.124816	0.884203
TOM1L2	3.85137	2.30206	-0.742444	0.0181648
ST6GAL1	4.81073	6.37638	0.406481	0.251081
RPL38	4451.51	4495.06	0.0140441	0.991167
VAMP3	20.6047	22.8406	0.148626	0.800869
LPAR5	0.0331469	0	#NAME?	1
C11orf49	19.0356	13.4227	-0.504025	0.619985
CLEC3B	1.27851	1.10295	-0.213093	0.913875
DNAJC22	4.90433	2.63905	-0.894039	0.0192959
TAB1	10.9573	12.1395	0.147819	0.817355
APPL1	3.66719	3.59287	-0.0295358	0.978016
ABCE1	19.001	24.6333	0.374534	0.285815
SBF1	8.11682	12.4776	0.620354	0.128429
ZFYVE20	3.15813	3.49112	0.14462	0.825017
RPL7	6597.11	6692.51	0.0207143	0.985692
VAV2	13.4849	18.6979	0.471536	0.109797
FBXO22-AS1	45.5747	53.4107	0.228897	0.845932
UQCRB	50.7271	53.9335	0.0884243	0.908707
UNK	7.76106	6.49789	-0.256282	0.671208

TTC18	0.45521	0.203447	-1.16188	0.91015
RAD51AP1	4.89479	4.86102	-0.00998616	0.994204
ME3	9.3979	8.08039	-0.217913	0.711465
TTPAL	3.96448	4.22601	0.0921629	0.910891
MAVS	3.40475	3.11935	-0.126304	0.848579
AACSP1	0.865012	0.796595	-0.118874	0.940466
TMTC4	3.6763	2.11342	-0.798676	0.0103919
DNAL1	0.526091	0.824907	0.648918	0.106011
RAVER1	24.8057	35.9663	0.535974	0.0576107
HINT3	5.49052	3.58416	-0.615308	0.0467998
HMG20B	97.1109	91.3676	-0.087951	0.907256
CCDC93	4.10727	3.74058	-0.134917	0.839607
KIF4A	5.30873	6.90855	0.380017	0.288227
SDHAP2	0.86994	1.34017	0.623431	0.293421
HOXB8	3.08992	6.11943	0.985828	0.0220668
CNEP1R1	5.00622	5.02337	0.00493188	0.996781
FGFR1	19.5883	16.708	-0.22945	0.614559
KCTD9	5.58898	5.67332	0.0216084	0.984084
NME4	68.4234	74.7887	0.128331	0.848219
MARCKS	10.3268	5.64403	-0.871599	0.00153868
KCNQ4	5.20079	6.01421	0.209644	0.73154
FBXL17	1.17868	0.825934	-0.513078	0.294591
EXOC6	2.87097	3.10759	0.114261	0.891086
TRIM8	31.079	26.0129	-0.256716	0.543063
VWA9	27.5387	36.0442	0.388309	0.232888
FBXO36	0.534056	0.368047	-0.537098	0.502283
TIPARP	11.8573	10.6194	-0.159079	0.783261
PTPN14	1.58427	1.59727	0.0117932	0.993157
PLEKHH3	9.62926	10.5498	0.131721	0.871443
SRRM3	11.8034	10.9806	-0.104246	0.896541
UBR5	5.64741	4.88906	-0.20803	0.66868
DOCK7	2.94189	1.91124	-0.622239	0.0442243
BTBD3	2.20387	2.34686	0.0906882	0.925922
ZNF621	2.25863	2.02771	-0.155596	0.817046
UQCRQ	91.3893	125.175	0.453853	0.137794
SPRY4	47.1876	55.7682	0.241037	0.582022
AKAP10	3.74748	3.12478	-0.262163	0.61305
LOC100130000	0.0873645	0.0329751	-1.40567	1
KBTD2	7.5846	7.31936	-0.051357	0.956644
SEPT10	15.6364	11.6938	-0.419163	0.180016
SPG21	75.9855	65.9924	-0.203425	0.673323
LAMTOR5	131.681	143.45	0.123502	0.853129
A1BG-AS1	0.163544	0.133404	-0.293871	1
FBXW2	7.97267	12.7946	0.682402	0.00970147
ZNF443	1.40922	1.90652	0.436045	0.408637
CEP152	0.976114	0.816028	-0.258431	0.704283
ALAD	7.20327	5.40602	-0.414086	0.248596
PPIE	37.4543	30.4931	-0.296651	0.611201
LYSMD1	1.45186	1.90127	0.389058	0.839114

MSH3	0.414938	0.361918	-0.197233	0.903133
CHAMP1	4.97036	4.73609	-0.0696531	0.941566
ADCK3	21.955	15.9121	-0.464425	0.137267
RPS23	450.228	441.883	-0.0269922	0.978996
CC2D1B	4.36755	5.40185	0.30663	0.450505
E2F2	2.21168	3.1785	0.523203	0.164978
DDX11-AS1	0.799716	0.660726	-0.275436	0.956716
FAM105B	2.05513	2.82762	0.46036	0.160303
MRPS27	37.1983	38.614	0.0538874	0.951854
RPL41	12602.8	12695.9	0.0106178	0.994058
BUB1	13.5503	15.6767	0.210301	0.670807
AGAP1	3.28566	2.58943	-0.343546	0.378436
ZNF578	1.32312	1.86705	0.496819	0.194085
GAB1	0.244677	0.200986	-0.283781	1
B4GALNT3	2.00048	4.13311	1.04688	0.00153868
LRRC4	0.0358432	0.0432062	0.269542	1
MOSPD3	43.5027	41.5374	-0.0666931	0.944295
AP2M1	196.483	197.72	0.0090586	0.994116
AP1S2	11.8129	12.1817	0.044346	0.964843
TRIM47	14.4092	27.0054	0.906258	0.00153868
RNF10	27.0688	21.8626	-0.308163	0.398588
CCDC50	6.44956	3.32835	-0.954395	0.00153868
DZANK1	0.207027	0.353056	0.770078	1
CBX3P2	0.337595	0.0897503	-1.91131	1
NBEAL2	5.03259	4.76103	-0.080029	0.949676
MCEE	3.99226	3.04077	-0.392767	0.57283
PEX19	14.3898	11.5224	-0.320608	0.384101
MNAT1	20.8382	18.3752	-0.18147	0.737596
CNOT11	22.5975	21.3724	-0.0804104	0.922274
RAP1GDS1	9.8483	8.43514	-0.223462	0.648214
DYNC1LI2	7.43964	12.1057	0.70238	0.00659556
L3HYPDH	2.81255	2.15531	-0.383982	0.608804
TSC2	10.1144	9.9309	-0.0264085	0.985501
CDC42EP3	1.78281	2.11003	0.243104	0.672486
SORT1	5.18963	5.24313	0.0147953	0.990104
TTC13	1.05888	1.40647	0.409537	0.489185
MTIF3	28.7311	20.2843	-0.50225	0.712162
FLJ13197	0.0144033	0.0459529	1.67376	1
AP1M2	2.6456	2.82803	0.0962032	0.94188
PTEN	7.30642	4.61657	-0.662344	0.0176564
ONECUT2	0.319899	0.367285	0.199283	1
RSBN1L-AS1	3.87987	5.29385	0.448308	0.663013
C2orf49	7.83801	8.26695	0.0768675	0.945399
C19orf70	98.4599	126.706	0.363875	0.283227
APOL6	0.0955623	0.0339203	-1.49429	1
LOC388692	0.279746	0.256975	-0.122493	1
RWDD3, TMEM56	10.5053	8.51374	-0.303257	0.630153
PHLDB1	2.9237	3.65779	0.323176	0.483397
LOC100505715	0.253428	0.223889	-0.178789	1

DCPS	30.1638	26.1146	-0.20796	0.702001
TYMS	18.5009	24.9875	0.433607	0.681325
MED28	37.6674	34.6901	-0.118792	0.864901
RPL22	325.437	330.942	0.0242016	0.981441
PLEKHF1	6.70888	5.62919	-0.253143	0.739517
SETD1A	7.52902	10.7996	0.520446	0.070901
ANAPC10	6.16972	6.20775	0.0088665	0.998382
TCIRG1	35.131	28.659	-0.293759	0.472728
RRP8	10.8357	14.4092	0.411197	0.267972
RASGRF2	0.0524121	0.0539823	0.0425871	1
GCOM1_MYZAP,F	8.75485	6.89247	-0.345061	0.340244
UNC13B	1.12615	1.30097	0.208186	0.776769
C19orf26	2.72575	2.94084	0.109574	0.934331
PGBD1	1.82986	2.52262	0.463189	0.28785
SSH1	5.54014	6.00573	0.116417	0.874024
IRF5	22.4451	16.8444	-0.414128	0.202725
LLGL2	26.7765	32.386	0.274406	0.594489
TRIM2	1.63841	1.55938	-0.0713186	0.944204
GNPDA2	3.86559	3.15784	-0.291751	0.623685
ZMAT1	0.131511	0.0391507	-1.74808	1
CDYL2	0.193154	0.154932	-0.318121	1
LNP1	1.79494	1.29179	-0.474566	0.910891
BPNT1	9.02501	7.66896	-0.234897	0.938622
RABL3	4.06428	5.49026	0.433877	0.208603
RGS14	4.85415	5.5017	0.180659	0.820484
KAT8	19.8313	20.5917	0.0542806	0.955413
SPC24	7.86283	5.36892	-0.550416	0.376879
ATP13A3	6.70447	6.99978	0.0621864	0.944934
TSPYL4	3.1504	4.47216	0.505438	0.147372
RPAP1	7.00327	6.29876	-0.15296	0.811033
SYP	0.238618	0.274248	0.200783	1
ELFN1	2.20481	1.37288	-0.68345	0.177708
KIAA2013	46.9131	60.0109	0.355236	0.288415
DNMT3B	1.36441	1.72459	0.337975	0.581347
ZSWIM1	4.10088	4.34038	0.0818876	0.938622
SLC25A40	2.07404	1.27884	-0.69761	0.54033
LOC389641	4.93362	3.20772	-0.621098	0.135269
UBE2Q2	12.1546	11.5802	-0.069847	0.936242
COL6A1	19.0985	22.5201	0.237755	0.606266
GLO1	100.374	97.7431	-0.0383164	0.968279
ERBB2IP	5.62504	3.60559	-0.641627	0.0198871
ELL3	1.46397	1.55503	0.0870525	0.994068
GATA6	2.75911	2.81478	0.0288186	0.98206
PPM1N	4.62829	3.42228	-0.435519	0.464817
PAXBP1	10.2695	11.2621	0.133103	0.840956
TYRO3	15.4689	14.2397	-0.119448	0.864177
PIGZ	0.814416	0.281528	-1.53248	0.0285456
ARL6IP5	18.0946	13.507	-0.421851	0.192594
KLHDC8B	7.95257	7.61006	-0.0635137	0.954501

MGST3	73.4097	69.4206	-0.0806069	0.917701
KHNYN	11.5592	7.87176	-0.554286	0.17963
PEX1	4.09266	2.54687	-0.684314	0.0187307
RPL23	4514.1	4604.93	0.0287401	0.978555
AHCY	177.837	177.403	-0.00352613	0.997552
ALDH1B1	19.3979	35.3423	0.865497	0.00153868
TRIQK	2.01695	0.742083	-1.44252	0.00153868
KIAA1468	1.9885	1.96225	-0.0191748	0.987173
DOK4	12.5287	12.6507	0.0139792	0.99481
ATP5G2	764.585	694.491	-0.138721	0.811969
FAF1	24.6973	16.3427	-0.595709	0.0259174
CLOCK	0.678373	0.885863	0.385006	0.391295
STX17	2.64884	2.09355	-0.339414	0.400165
GBA2	8.37833	14.2259	0.763788	0.42868
CCBL2,RBMXL1	14.8697	13.8585	-0.101606	0.914204
TMEM237	3.54818	3.99241	0.170181	0.780958
PPARGC1B	0.452447	0.785713	0.796255	0.0355697
OGFOD3	5.57678	7.11443	0.351316	0.730925
SLC25A1	141.967	159.703	0.169841	0.762618
STAM2	1.48813	1.24632	-0.255829	0.674951
RPS24	3334.74	3593.54	0.107834	0.886331
DSN1	8.22648	8.61291	0.0662253	0.949638
DND1	8.92445	13.5114	0.598339	0.557163
RPS20	3618.62	3590.96	-0.011073	0.993578
KRTAP5-8	0.0562478	0.0311811	-0.851126	1
PIH1D1	88.4165	89.1448	0.0118353	0.992304
AKAP11	2.00941	1.78314	-0.172352	0.774227
TTN	0.0153035	0.0117468	-0.381597	1
ARHGFE7	7.85849	8.89748	0.179143	0.733299
ETNK1	5.17493	5.99999	0.213421	0.836427
WDR1	117.077	126.119	0.107335	0.882208
C12orf52	21.2259	35.1556	0.727929	0.00572929
RPL13AP6	0.162675	0.300208	0.883965	1
NHLH2	0.470391	0.561336	0.255004	0.84547
B3GNT5	2.38537	2.97551	0.318922	0.50443
FAM175B	4.53091	5.28182	0.221234	0.692701
LOC648987	1.28897	1.39714	0.116255	0.934604
FAM90A2P	0.158434	0.110812	-0.515762	1
PLGRKT	13.3735	10.6443	-0.329301	0.509882
PLEK2	44.6042	40.5395	-0.13785	0.827565
C1orf50	10.7456	8.95361	-0.263211	0.665667
FLJ43681	0.542245	0.689661	0.346943	0.744778
CLSTN1	26.0059	26.9077	0.0491774	0.960032
LOC100506190	11.9131	3.79188	-1.65157	0.00153868
TMEM230	57.4965	52.861	-0.121269	0.858829
LAPTM5	0.017841	0.00590696	-1.59471	1
PACSIN2	14.9971	20.067	0.420138	0.19932
ACTN4	52.0415	66.8528	0.361325	0.343293
HELQ	1.92781	1.48832	-0.373281	0.471212

MEA1	125.281	147.223	0.23283	0.713125
BBS9	1.02007	0.596614	-0.773802	0.100423
ZBTB40	2.07617	2.90071	0.48248	0.14961
UBQLN2	10.799	11.4447	0.0837819	0.917701
VDAC1	149.962	181.025	0.271593	0.499926
TMEM106B	3.36395	2.22377	-0.59715	0.0374759
RHOBTB3	7.05137	3.93846	-0.840271	0.00153868
FBXO30	4.4072	4.81626	0.128049	0.879055
STAG2	7.98653	5.22059	-0.613354	0.0238313
SNAPIN	37.0101	28.8534	-0.359175	0.89785
LMF1	25.6061	20.5768	-0.315473	0.470892
SIN3B	8.32051	10.0246	0.268794	0.530459
ATP5O	303.822	316.314	0.0581285	0.947376
SGOL2	2.08424	3.29324	0.659986	0.0280907
ETFA	92.1814	97.6075	0.0825158	0.91534
GALNT11	11.8144	13.2181	0.161962	0.787473
KIF1C	19.2789	30.5682	0.66501	0.00970147
IGF2BP2	28.6117	21.2032	-0.432323	0.163151
AGPAT4	0.349238	0.151516	-1.20474	1
PRKAB1	8.7809	9.864	0.167804	0.80005
RPS4X	3248.82	3394.91	0.0634568	0.949726
SPATA12	0.0751711	0.0298168	-1.33405	1
SLC26A6	7.67799	9.34973	0.284196	0.557876
CAAP1	4.06679	3.75788	-0.113969	0.895686
FEZ2	126.049	94.0722	-0.422147	0.167611
RPS27L	70.5563	97.7383	0.470148	0.116272
MSX2	2.22637	1.94267	-0.196655	0.84258
LOC440354,LOC5	1.83412	2.31606	0.336588	0.503719
CCDC18	0.413489	0.516349	0.320497	0.703975
CERS6-AS1	5.74643	6.36279	0.146993	0.89785
PAFAH1B1	12.7121	12.5924	-0.0136485	0.991079
NSA2	138.982	133.288	-0.0603448	0.964843
FOPNL	12.3505	12.0275	-0.0382346	0.969535
ZC2HC1A	1.64898	0.949181	-0.796816	0.0410754
LZIC	10.1115	7.80197	-0.37408	0.367402
HARS2	8.45002	8.25552	-0.0335966	0.991167
CENPC1	2.05595	1.29986	-0.661447	0.0900926
CCDC34	9.3906	11.3492	0.273297	0.5818
MARC2	4.31603	4.22661	-0.0302037	0.98206
DOCK5	0.596936	0.607842	0.026121	0.985857
S100PBP	3.38754	3.49743	0.0460537	0.992304
CDKAL1	2.6527	2.38877	-0.151193	0.858729
XRCC1	16.2869	9.46694	-0.782739	0.00380811
BCAR4	0.269657	0.222459	-0.277585	1
KIAA1009	0.251986	0.353915	0.490063	1
ATXN3	1.62506	0.966288	-0.749972	0.0137404
FAM104B	6.09716	7.85126	0.364788	0.46877
TMEM86A	1.17051	0.53263	-1.13593	0.0143403
SLC35A3	2.31244	1.74564	-0.405656	0.291005

SUV420H1	5.59967	4.46758	-0.32585	0.470574
TMEM30A	11.4418	13.7592	0.266088	0.518985
CHMP1B	16.8817	12.5392	-0.429011	0.392586
LPCAT3	9.099	19.0684	1.0674	0.00153868
GPR65	0.0120153	0.00185475	-2.69558	1
TCEAL1	10.4588	10.977	0.0697655	0.948523
FBXO28	6.0511	6.70117	0.147215	0.81334
CBWD2	1.26805	2.63526	1.05534	0.00897284
DERL3	1.2465	1.02823	-0.277719	0.971173
WDR65	0.0244036	0.0272014	0.156586	1
ELF1	7.0592	4.87684	-0.533559	0.077894
SIAE	7.68332	5.81798	-0.40121	0.614106
ABCC9	0.507853	0.49631	-0.0331711	0.981022
FAM149A	1.10455	0.745361	-0.567454	0.353347
NARS2	6.96078	7.93296	0.188609	0.754905
MZT1	14.8007	14.672	-0.0126015	0.991446
MCM3AP-AS1	0.136303	0.127293	-0.0986695	1
PRKDC	9.41207	8.47367	-0.151525	0.797341
LIX1L	8.43415	5.84214	-0.529745	0.216013
PRMT6	6.49933	11.308	0.798978	0.00274688
FUNDC1	13.1286	12.6452	-0.0541216	0.960032
ATP9B	2.25184	1.54954	-0.539262	0.204576
C3orf18	5.83663	4.18611	-0.479525	0.592657
LOC728752	1.16572	1.43808	0.302922	0.791482
DKFZP686115217	1.07707	0.488359	-1.1411	0.0564873
PEAK1	1.10573	0.91075	-0.279873	0.579868
KIF21B	0.103808	0.0723336	-0.521176	1
SMG1	2.20564	2.72147	0.303188	0.427905
SIPA1	12.2843	11.6022	-0.0824105	0.927701
DGKG	1.86697	2.15515	0.207089	0.741465
CDC14A	0.899703	0.713609	-0.334316	0.629512
GTF2H2C,GTF2H	1.48083	1.77968	0.265213	0.751625
HSPB1	764.412	1634.53	1.09645	0.00153868
TRPC4AP	36.4943	38.4767	0.0763134	0.928178
ROGDI	8.72876	9.19463	0.0750143	0.947261
TMEM246	25.1219	27.8376	0.14809	0.803349
FMNL3	3.16677	3.59812	0.18423	0.740566
TMEM231	11.6123	7.10635	-0.708478	0.0137404
TMEM45B	0.0293529	0.117437	2.00031	1
BRF2	10.039	10.8021	0.105696	0.897332
USP13	1.47629	1.65886	0.168214	0.801665
CYTH3	4.11727	4.75595	0.208046	0.720882
VDAC2	173.097	154.659	-0.162486	0.773332
KIAA0319L	7.11585	4.42801	-0.684376	0.0137404
ZNF501	0.592975	0.526322	-0.172024	0.886331
BDP1	0.895986	1.29305	0.529229	0.12463
LOC285819	0.273457	0.189657	-0.527923	1
UBXN6	138.538	112.432	-0.301228	0.438784
GPC2	1.73491	2.24964	0.374836	0.610071

DHX57	3.13387	4.33463	0.467961	0.167611
LYPLAL1	12.0074	5.34651	-1.16726	0.00153868
CDC37L1	6.19698	5.50548	-0.170697	0.809839
SOX13	4.12899	4.71493	0.191447	0.773721
TCTN1	7.67903	5.47729	-0.487464	0.213634
GAS2L1	14.0542	21.3353	0.602238	0.0434002
C21orf33	71.5676	46.1331	-0.633505	0.0150346
TASP1	3.07037	3.21747	0.0675163	0.953962
CCNJ	3.65733	5.50784	0.590697	0.228555
SKI	8.49431	10.1355	0.25485	0.565031
SERPINB6	101.983	80.7621	-0.336573	0.337839
CNNM2	2.99392	1.0037	-1.5767	0.00153868
GABPB1-AS1	1.27191	1.20691	-0.075678	0.978031
MIER3	1.71675	2.03037	0.242058	0.731357
FBXO24	0.358371	0.140774	-1.34807	1
SH3BP5	6.11622	6.51356	0.0908059	0.927002
TMEM229B	0.458942	0.322231	-0.510216	0.546288
VWA5A	3.94575	2.207	-0.838216	0.0150346
PHF23	15.9651	39.9209	1.32223	0.00153868
PML	12.7166	11.3309	-0.166451	0.806275
COPS7B	18.1388	31.9355	0.816078	0.00274688
DENND6A	2.94006	2.56328	-0.197858	0.745547
PPP4R2	4.01649	4.96527	0.305935	0.580385
STAU1	29.0045	32.9749	0.185089	0.722089
FLJ39051	1.96411	1.70008	-0.208274	0.969667
PDCD4	14.1568	6.61011	-1.09875	0.00153868
ABL2	17.935	8.40837	-1.09288	0.00153868
CD2AP	5.41443	5.99594	0.147177	0.808394
SNX9	11.5269	9.62206	-0.260582	0.527245
MDH1	87.9508	91.5804	0.058342	0.948304
C15orf40	15.8646	13.4249	-0.240896	0.886227
BRWD1	1.99804	1.74238	-0.19753	0.883608
LTBP1	1.51574	0.868306	-0.803743	0.024868
ZNF100	1.52813	1.32059	-0.21059	0.767184
NEIL1	9.40712	8.08133	-0.219161	0.751293
C7orf31	1.40458	0.711019	-0.982175	0.0156935
ZMYND15	1.66906	1.13712	-0.553648	0.358175
ZNF202	3.23325	4.11574	0.348164	0.408191
POLR1B	8.46457	12.112	0.516934	0.064033
C8orf40	48.2793	22.3445	-1.11148	0.0290262
MED14	4.50572	3.71617	-0.277941	0.503126
DNAJA1	80.7806	294.044	1.86395	0.00153868
B3GAT1	6.8711	6.79837	-0.0153514	0.990711
NUSAP1	31.9118	29.3642	-0.120034	0.861774
CAPN2	143.93	139.937	-0.0405903	0.967343
NSUN6	3.70447	3.41652	-0.116742	0.896977
ACSL4	9.10726	8.96272	-0.0230807	0.981441
TMEM86B	1.69696	2.88106	0.763644	0.160554
CMTM4	11.1836	12.5642	0.167937	0.773987

QTRTD1	5.19069	7.42017	0.515527	0.096962
TBC1D22A	13.4376	8.81491	-0.608259	0.0308509
FOXN2	2.47661	2.18475	-0.180901	0.773721
CNST	3.15462	2.41672	-0.384417	0.342
SERPINB9	11.852	18.44	0.637708	0.0150346
CASP7	3.78801	5.96484	0.655042	0.048028
CSDE1,NRAS	35.5052	31.0978	-0.191218	0.736949
NRARP	41.1472	72.9211	0.825543	0.00153868
UGDH-AS1	2.36814	2.06148	-0.200076	0.809839
NISCH	15.5078	15.3944	-0.0105898	0.992917
CBR1	45.1489	93.7284	1.0538	0.00153868
HLA-F	58.8436	48.4488	-0.280423	0.507179
SMARCD2	41.1494	46.7334	0.183583	0.727839
PSD3	0.00525411	0.000809589	-2.69818	1
DECR1	113.405	89.3714	-0.343599	0.314115
CRTC2	14.608	17.2695	0.241476	0.606595
CTSK	0.888713	0.589254	-0.592828	0.419248
RNF181	159.773	113.005	-0.499637	0.0809491
PPP2R5D	19.1063	20.0915	0.0725434	0.96623
PPM1A	3.6383	3.81453	0.0682395	0.944348
BBS4	5.23393	3.41389	-0.616477	0.0741309
MTHFSD	4.55574	4.2319	-0.10638	0.915911
P2RX4	13.4502	6.41676	-1.06771	0.00153868
KLHL20	1.64198	1.83709	0.161984	0.857226
ALKBH4	10.2373	17.7349	0.792757	0.150849
ADK	16.1509	15.8372	-0.0282972	0.977897
PRDM12	1.35297	1.71206	0.339601	0.709934
B4GALT7	30.5597	23.2825	-0.392385	0.248811
RNF38	2.67434	2.40418	-0.153641	0.832511
BTF3	812.727	873.77	0.104483	0.886622
ZNF234	0.921051	1.24348	0.433027	0.390823
SNX5	44.8911	35.7627	-0.327972	0.349952
SCCPDH	27.6342	21.6227	-0.353903	0.307003
PPHLN1	19.2332	19.8628	0.0464724	0.967296
KIAA0895	0.544653	0.917502	0.752374	0.762734
PTPN12	7.49307	6.81012	-0.137876	0.834542
ATP6V1A	6.04964	5.76138	-0.0704351	0.937886
COQ6	16.2728	12.9688	-0.327417	0.461327
C11orf71	6.22205	4.36229	-0.512304	0.544488
CADM1	5.33417	4.55168	-0.228865	0.644703
ICAM5	1.85277	1.23924	-0.580223	0.405811
POT1	2.67379	1.67659	-0.673356	0.0504359
IST1	24.2464	25.4854	0.0719006	0.933369
ANLN	9.0194	14.0188	0.636264	0.0176564
LOC644961	0.153395	0.226778	0.564031	1
PLEKHG5,TNFRS	16.0106	15.2739	-0.0679648	0.964843
NBR1	20.3828	6.64088	-1.61791	0.00153868
XPO7	13.2355	10.8718	-0.283821	0.473572
ARHGAP31	1.35583	2.01262	0.569897	0.0884345

PHKG2	6.95515	9.67608	0.476341	0.642802
CD24	4.87423	3.56491	-0.451307	0.284182
RHOU	0.251346	0.275707	0.133462	1
FAU	1955.24	2280.35	0.221914	0.687015
EEFSEC	13.4441	9.16689	-0.552469	0.0910503
VAMP2	27.6093	15.3802	-0.844076	0.00153868
GPD1L	2.97046	5.67194	0.933157	0.00153868
RELA	55.0105	56.2175	0.0313135	0.975492
MYL12A	356.353	274.162	-0.378275	0.256851
ANKS1A	3.83157	5.09804	0.412007	0.249215
KLC3	32.0144	21.2901	-0.588538	0.28861
IFT57	8.15363	9.6811	0.247729	0.592869
LINC00535	0.0870252	0.0788409	-0.14249	1
RAB22A	3.58155	3.53783	-0.0177207	0.98643
C9orf84	0.0080349	0.0104759	0.382716	1
SERPINB1	70.7898	36.3463	-0.961733	0.00153868
LTBP3	7.97021	11.6954	0.553252	0.6172
CLUHP3	0.254615	0.290619	0.190808	1
LINC00265	3.05525	2.4608	-0.31216	0.574468
EIF3C,EIF3CL	0.0272703	0.0107882	-1.33787	1
TOP3B	7.75511	8.09755	0.0623389	0.952184
TTC39C	21.9983	17.0016	-0.371717	0.620242
PIF1	5.01972	7.36465	0.553009	0.127913
RXRB	22.1635	13.764	-0.687289	0.00897284
VTA1	7.2268	7.79103	0.108458	0.881554
DHX40	5.83875	3.90668	-0.579716	0.0537703
AFAP1	1.07217	1.36981	0.353448	0.490627
TK2	4.47951	2.5933	-0.788551	0.00897284
EIF2D	29.2074	20.1294	-0.537027	0.048028
FOXJ2	1.9266	1.66219	-0.212974	0.748287
EXOC7	26.6971	38.5163	0.528787	0.0653297
LOC285074	10.4	10.3145	-0.0119036	0.993578
AP1G2,JPH4	12.7133	12.8411	0.0144286	0.992891
KBTBD6	1.25382	1.81517	0.533773	0.187362
CEP76	1.39018	1.2642	-0.137044	0.974573
LINC00663	1.25192	0.918292	-0.447116	0.525575
COPG2,TSGA13	12.8147	7.86639	-0.704025	0.243499
PAX6	0.0632005	0.101973	0.690175	1
MTSS1L	12.629	16.7348	0.406109	0.212956
WNT11	7.00078	6.95979	-0.00847273	0.994734
HSD17B11	28.6957	14.3502	-0.999762	0.00153868
MKRN1	41.7279	31.3639	-0.411907	0.207194
ATP1A3	8.37207	7.59153	-0.141194	0.842746
STAU2	6.17545	4.60653	-0.422862	0.217777
ZNF185	0.14793	0.092381	-0.679244	1
CUTC	16.8502	16.7055	-0.0124375	0.995799
QRICH1	16.7438	20.0865	0.262602	0.525673
RNF8	5.69855	8.66905	0.605278	0.0220668
SEPT6	7.10844	6.20705	-0.195627	0.731905

GNPNAT1	19.1856	28.5402	0.572974	0.0308509
CIR1	11.7141	7.53405	-0.636748	0.0304296
ADAM10	2.56991	2.18942	-0.231171	0.707074
TCF3	26.9245	34.8624	0.372751	0.255101
POLR1C	54.8873	73.4614	0.420516	0.179759
C5orf22	3.86503	4.39119	0.184131	0.765759
CKAP2L	2.13301	1.27406	-0.743458	0.0407657
ARFIP1	5.76099	5.48867	-0.0698606	0.940421
ZNF611	0.477214	0.364982	-0.38681	0.618057
SZT2	1.26957	1.24654	-0.0264056	0.986916
ASAH1	25.3385	15.0958	-0.747181	0.00274688
CTAGE15P	0.0909543	0.146039	0.683145	1
OSTC	65.9466	72.2265	0.131229	0.835783
NAT2	0.0259962	0	#NAME?	1
LOC441204	0.0437429	0.0196382	-1.15538	1
TLL4	5.75233	7.5228	0.387123	0.266689
TCEAL3	14.7177	9.62054	-0.613359	0.0705331
DNAH5	0.014702	0.0138528	-0.0858436	1
SPSB1	14.5886	10.7704	-0.437765	0.176657
COMMD2	3.62984	3.27187	-0.149788	0.841788
TFB1M	6.1857	4.75011	-0.380976	0.352576
TCEB3	1.75154	2.57253	0.554561	0.17063
IL23A	0.862699	0.617936	-0.4814	0.7154
SLC4A7	1.40763	1.3607	-0.0489217	0.965831
RAP2C	6.27027	7.58582	0.274778	0.538465
TTC3P1	0.147648	0.0869902	-0.763241	1
OCRL	7.99493	5.2201	-0.615008	0.0304296
GPHN	5.30926	5.1252	-0.0509025	0.959927
SERF1A	0.0938674	0.17518	0.900144	1
MFF	26.0287	19.2242	-0.437179	0.150319
HEBP2	49.1266	51.7705	0.0756269	0.926279
ZNF628	4.91103	4.47563	-0.133935	0.889403
HYAL3.NAT6	24.4512	18.9747	-0.365826	0.374557
KCNK15	0.0829438	0.0838623	0.015888	1
MAP2K7	18.6408	21.9892	0.238328	0.604311
ZNF23	7.12329	4.28913	-0.73186	0.00820276
YPEL3	19.6315	6.5727	-1.57861	0.00153868
TMIE	0.339121	0.0329319	-3.36424	1
TMEM101	39.3259	23.6862	-0.731432	0.00274688
DFFB	3.61836	8.60013	1.24902	0.00153868
DHCR7	32.399	69.7286	1.1058	0.00153868
NDUFAF4P1	0.017087	0.0498984	1.5461	1
MORC2	4.04021	5.23568	0.373946	0.359372
ZNF446	7.14092	2.56601	-1.47658	0.00153868
ZNF70	0.66972	0.606198	-0.143768	0.915911
PRSS3	50.7504	42.9658	-0.24023	0.615477
ASCC1	8.36631	5.61298	-0.575824	0.480807
ZDHHC4	36.5057	27.3753	-0.415247	0.207927
C1orf109	6.66684	11.4089	0.775084	0.00820276

ASB3,GPR75,GPI	3.91982	3.06164	-0.356483	0.831832
LAGE3	17.4718	20.2225	0.210934	0.688983
LRIG3	0.855701	1.12124	0.389912	0.522408
MBLAC2	1.49401	1.58979	0.0896508	0.937886
ZNF557	1.74482	1.62107	-0.106135	0.907499
CASK	1.3155	0.991905	-0.407334	0.343885
QSER1	2.28855	2.88576	0.334513	0.362925
LAIR1	0.0483846	0.0923197	0.93209	1
N4BP3	3.9461	4.31462	0.128806	0.865746
BCRP2	2.79624	3.23927	0.212182	0.797188
MTRF1	2.5032	3.1006	0.308774	0.590662
CXCL3	0.367163	0.379405	0.04732	0.987457
ELK4	3.87405	3.61058	-0.101613	0.931457
UBTF	17.0236	25.3402	0.573894	0.0253664
PDE11A	0.0758978	0.0244966	-1.63148	1
COPS4	23.3371	23.1829	-0.0095622	0.994058
C16orf58	41.1674	26.2299	-0.650291	0.0111246
RAB6A	24.8648	24.0205	-0.0498358	0.955113
YTHDF3	7.51014	7.20396	-0.0600504	0.9473
PHF10	18.6584	16.5932	-0.169239	0.855739
HADHB	67.5883	59.6024	-0.181404	0.726122
PRRC2A	31.1873	35.0923	0.170195	0.749043
SKIV2L	7.19387	6.89322	-0.0615889	0.977897
ZFPM1	2.22044	2.02903	-0.130054	0.925593
MOB1B	1.43443	1.41872	-0.0158823	0.990368
UBN2	1.07532	0.868876	-0.30754	0.491072
CDX2	12.4543	16.6016	0.414678	0.252509
ME2	17.1431	17.0314	-0.00943192	0.994068
SEC24B	5.54298	4.5591	-0.281912	0.518305
MCCC1	13.9528	8.458	-0.722171	0.00572929
MLLT4	4.51918	3.85972	-0.227565	0.632579
SMIM3	8.30111	8.67649	0.0638074	0.948523
GAREML	6.65423	8.54208	0.360314	0.361239
GLS2	9.89418	6.51475	-0.602869	0.308793
SMIM15	13.1712	15.6787	0.251416	0.560206
RHBDF1	17.3674	11.1155	-0.643803	0.0304296
LCP1	68.945	57.1684	-0.270227	0.510161
RNF34	7.6511	11.4628	0.583221	0.0763878
OSBP2	5.25688	3.35712	-0.646985	0.0512103
GLOD4	32.5648	30.4954	-0.0947204	0.938543
STRADA	12.7039	10.1681	-0.321213	0.432985
PHLPP1	2.63719	1.91466	-0.461914	0.247848
ANAPC16	20.5318	15.2211	-0.431786	0.26469
APEX1	186.726	193.884	0.05427	0.952978
NR1D1	9.02988	12.5722	0.477462	0.352882
MATN3	0.0129626	0.00411882	-1.65406	1
RPL3	4035.7	3705.98	-0.122963	0.877776
ZNF214	0.352463	0.295243	-0.255571	1
DMAP1	13.3861	20.103	0.586677	0.068345

NDEL1	5.41802	7.42993	0.455583	0.217674
ZNF761	2.81387	4.09878	0.542636	0.12195
ZDHHHC9	13.8218	10.2916	-0.425484	0.163844
WNK1	3.44013	4.23414	0.299605	0.441241
ZNF781	0.0527638	0.0435549	-0.276712	1
OSGIN2	8.98212	7.19503	-0.320056	0.392586
ADRA2C	16.1262	12.0271	-0.423114	0.338257
LRP4-AS1	0.317164	0.180527	-0.813014	1
ECHDC2	8.93404	7.17104	-0.317132	0.542897
MRPS14	10.1762	10.9409	0.104533	0.889851
RPL10A	3142.77	2939.99	-0.0962267	0.905839
PLEKHA6	1.36391	1.28462	-0.0864082	0.93511
CTDSP2	21.0496	14.7003	-0.517943	0.057213
CREG1	36.1445	28.8726	-0.324073	0.371596
TMEM60	23.2126	17.5531	-0.403178	0.317314
UBE2Z	41.755	50.1219	0.263492	0.51683
CAMLG	50.8094	24.6659	-1.04258	0.00153868
NXF1	24.7698	50.715	1.03383	0.00153868
GTDC2	8.63799	11.9999	0.474254	0.159482
FRAT1	3.87625	2.30492	-0.749947	0.0874559
CDKN2AIP	4.94344	5.55993	0.16955	0.813026
ADRB1	0.316423	0.20315	-0.639313	1
FTSJD1	6.05288	5.94275	-0.0264909	0.979451
CECR5	101.974	106.092	0.0571158	0.950064
COX7C	1184.81	1176.27	-0.0104429	0.993157
RASA1	2.85142	2.19723	-0.375994	0.374985
LOC646903	0.127991	0.272765	1.09162	1
CCDC88C	3.05378	3.5556	0.219496	0.689613
PDIA6	114.743	147.227	0.359628	0.303595
MAMDC4	2.38366	1.37114	-0.797801	0.0775493
ZFP112	0.7319	0.818525	0.16138	0.879055
ZNF169	0.630843	0.673782	0.0950002	0.950837
PPM1M	8.31386	4.40297	-0.91704	0.00274688
BMP1	7.62369	7.38898	-0.0451138	0.967296
DHRS4	14.8625	13.9992	-0.0863327	0.945429
ZNF574	10.2355	13.4316	0.392046	0.276498
PLD3	46.3158	32.6185	-0.505817	0.14449
CEP63	1.98005	1.52616	-0.375631	0.869183
ASCL5	0.368722	0.449873	0.286981	0.92085
NTN5	0.642263	0.557428	-0.20438	0.978818
PTPRA,VPS16	28.2346	23.4649	-0.26696	0.633194
FAM90A1	0.558911	0.495691	-0.173176	0.919777
TMEM223	14.5704	12.8768	-0.178263	0.941368
KTN1	13.4399	16.7472	0.317393	0.402378
INCENP	6.48701	7.71588	0.250277	0.622503
PPIEL	0.11532	0.233525	1.01794	1
C6orf70	7.25229	4.52408	-0.680812	0.0410754
BBS10	2.27117	1.74742	-0.378214	0.435374
JUP	0.0386436	0.0407347	0.0760296	1

RNF207	1.76884	2.77197	0.648103	0.765759
TOMM6	124.575	196.161	0.655028	0.0117316
ITPKC	5.77438	11.8766	1.04038	0.00380811
MROH1	22.4506	18.3249	-0.292946	0.538721
SCYL2	4.45768	4.26356	-0.0642362	0.949814
AQP3	0.1844	0.30659	0.733476	1
VPS37A	3.24849	3.43298	0.0796959	0.941566
ZBTB38	2.51063	1.76978	-0.504476	0.111557
RPL28	1978.5	2014.44	0.025975	0.985373
MGA	1.09164	1.58957	0.542132	0.0824065
YLPM1	2.71335	3.24473	0.258024	0.566297
RHOD	67.3856	64.9587	-0.0529178	0.954143
MIDN	12.8038	17.4604	0.447522	0.17528
DCAF5	4.43004	4.62332	0.0616111	0.946021
XPA	7.25813	9.92952	0.452126	0.224562
TRIM52	1.48104	1.61023	0.120654	0.924931
CLDN9	0.36919	0.368671	-0.00202964	1
NECAB3	31.0815	28.738	-0.113097	0.883608
COPS7A	48.3816	49.1499	0.0227319	0.98206
PTPRH	0.804994	0.128815	-2.64368	0.00153868
ZNF496	6.21603	4.91923	-0.337562	0.518305
TMCC2	1.57724	1.85155	0.231328	0.784853
IMPACT	4.37848	2.54531	-0.782591	0.00820276
FAM171A2	7.94701	5.42641	-0.550415	0.206324
PCDHB9	0.395919	0.193372	-1.03382	0.112663
LDOC1L	6.20777	6.81089	0.133768	0.844936
OTUD4	3.78603	5.1195	0.435316	0.231454
MLEC	20.7782	32.5214	0.646322	0.0176564
CHDH	4.09783	5.53825	0.43457	0.270224
ALX3	1.38804	1.52944	0.139959	0.936418
CNOT6L	2.33241	2.41401	0.0496119	0.960032
RPL19	5729.84	5680.09	-0.0125815	0.992159
AHI1	1.5023	1.61393	0.103406	0.915911
PARP3	11.416	7.04482	-0.69642	0.0123712
VBP1	27.6947	32.3946	0.226144	0.6214
LITAF	26.0652	31.2789	0.263065	0.51789
ACIN1	56.756	72.797	0.359105	0.49582
PRAME	14.3625	30.3034	1.07717	0.00153868
PRKAG2-AS1	15.4807	11.6756	-0.406967	0.798113
NMD3	13.525	12.4817	-0.115808	0.870275
NUP210	13.4487	13.082	-0.039885	0.967048
NDUFA2	108.586	133.078	0.293442	0.529161
THG1L	21.9186	14.9417	-0.552812	0.0691625
WRNIP1	33.1979	48.2675	0.53996	0.0442243
PDHX	9.98335	9.01663	-0.146935	0.87763
C12orf49	6.53497	8.04154	0.299291	0.499953
SLC39A4	36.2937	39.097	0.107339	0.884949
ST3GAL4	17.7554	22.3893	0.334548	0.385955
PNKD	43.4599	42.4235	-0.0348231	0.994017

PMS2P4	1.12529	0.90535	-0.313756	0.85253
ZSCAN25	2.99965	3.26641	0.122911	0.880081
ARVCF	12.772	8.2944	-0.622778	0.624761
TPM4	235.439	232.977	-0.0151689	0.989777
SLC2A10	2.28582	1.27727	-0.839648	0.0187307
SP3	5.06769	4.38206	-0.20972	0.668024
CPNE2	27.8971	25.5004	-0.129595	0.847872
NANOS1	2.66061	3.64558	0.454391	0.235628
SFI1	6.71219	3.92861	-0.772766	0.370545
THPO	0.234058	0.0415007	-2.49566	1
MCU	6.11497	6.16889	0.0126639	0.992298
IFNLR1	1.4203	1.43102	0.0108428	0.994279
AGXT2L2	9.53846	5.56193	-0.778171	0.870524
SNAI3-AS1	1.32703	1.40896	0.0864299	0.978016
BORA	4.03431	3.28684	-0.29562	0.882208
HS6ST1	10.7196	18.7671	0.807949	0.00153868
AHR	0.288307	0.368251	0.353085	1
GLYR1	10.624	17.215	0.696342	0.00897284
PPFIA1	5.28505	5.55711	0.0724174	0.934331
EIF3H	537	447.757	-0.262205	0.538509
TMEM258	467.048	441.166	-0.0822474	0.917228
MYL6	770.914	905.945	0.232854	0.612746
FUT10	2.6948	2.72169	0.0143215	0.992098
HIST1H1C	42.5385	46.7969	0.137644	0.859937
ANXA2P2	4.0727	4.04363	-0.0103346	0.994507
RNF217	0.473887	0.298963	-0.664577	0.462426
DSTYK	1.75722	1.87733	0.095389	0.913947
SCAND2P	2.48571	3.40719	0.454926	0.239715
CUTA	282.886	242.108	-0.224567	0.639446
SF3B3	22.977	22.7425	-0.0147993	0.990042
FAN1	3.02359	3.93765	0.381071	0.463884
PLXNC1	0.521469	0.401506	-0.377159	0.648133
SQRDL	10.3967	6.81394	-0.609558	0.0491395
GTF2B	16.1252	14.6997	-0.133532	0.850452
SBF2-AS1	2.46634	0.994634	-1.31013	0.0460785
PIKFYVE	1.34358	1.21535	-0.144704	0.855564
PRDX4	209.039	281.495	0.429339	0.157502
CISD1	11.0415	13.9231	0.334545	0.373268
LRRC41	29.28	37.4821	0.356288	0.400688
COQ7	3.40499	2.55902	-0.412057	0.370768
SRC	18.2324	19.2378	0.0774451	0.924901
AKR7A3	10.2782	8.52407	-0.269968	0.675765
DNTTIP1	76.8755	44.4127	-0.791552	0.00153868
POLDIP3	26.0107	30.4879	0.229127	0.61305
CUL4A	16.8325	22.2937	0.405385	0.199526
BHLHA15	1.99026	2.55587	0.360859	0.806525
ABHD4	7.07477	4.80326	-0.558668	0.104553
PHACTR4	3.79091	4.14927	0.130316	0.851662
AP3B1	5.49528	3.84085	-0.516768	0.0959472

PCOLCE	14.7253	7.67248	-0.940533	0.00153868
FAM21A,FAM21B	1.69487	1.34332	-0.335363	0.536705
MYCBP2	1.38254	1.79372	0.37563	0.274988
SPRED3	1.63789	2.03572	0.313701	0.587158
GOLGA1	4.91108	3.21086	-0.613078	0.048028
TFCP2L1	0.819911	0.726477	-0.17455	0.831834
RPL11	4107.03	4368.06	0.0888982	0.917701
GID4	3.9348	3.58147	-0.135741	0.861774
CHD8	3.32328	4.15602	0.322593	0.396
DVL3	16.0028	18.1646	0.182808	0.720426
USP9X	6.01131	4.08152	-0.558573	0.0393841
EIF3F	398.942	383.614	-0.0565259	0.950837
CYB5D1	5.18605	9.90005	0.9328	0.0403493
ROCK2	1.08662	1.14991	0.0816755	0.939356
SH3GLB1	8.30421	7.46981	-0.152771	0.793248
CXXC5	4.38285	6.59733	0.590011	0.233577
CASC3	23.5754	17.4842	-0.431226	0.155896
PKIG	23.5747	16.1997	-0.541269	0.111734
PPP1R12A	3.85408	3.77667	-0.0292709	0.978659
RENBP	0.393909	0.146741	-1.42459	0.267401
CAMKK2	9.77969	13.7507	0.49164	0.105364
ANKRD36BP1	0.107838	0.0862893	-0.321618	1
LOC100379224	1.80955	1.96981	0.122429	0.898731
RCL1	12.3984	15.0911	0.283535	0.501964
TRIAP1	21.8243	31.4369	0.526528	0.0672313
RNF141	3.68353	3.06329	-0.266008	0.598397
MMD	2.22473	2.33878	0.0721257	0.953159
ARL6IP1	65.3886	65.9204	0.0116851	0.992304
UBA5	9.72178	9.94932	0.0333772	0.980228
TEKT4P2	8.83259	9.80468	0.150635	0.905579
CPSF2	6.34069	6.31371	-0.00615142	0.994734
MTCH1	26.6705	26.3069	-0.0198047	0.984602
RFK	9.95001	16.887	0.763145	0.00380811
CHD1L	31.4297	29.6848	-0.0824028	0.91609
MBOAT2	4.46488	4.00461	-0.156962	0.81323
SNHG5	1342.92	1244.72	-0.109555	0.877394
CSTF1	12.0149	12.5732	0.0655197	0.945399
ERGIC3	142.413	143.6	0.0119763	0.992304
DIEXF	3.96329	3.934	-0.0107022	0.993578
ZRANB3	0.459113	0.201648	-1.18701	0.042563
CDPF1	5.03937	3.23284	-0.64044	0.156345
GOPC	4.8359	4.88575	0.0147947	0.990746
EXOC8	2.06062	2.09723	0.0254102	0.981975
CSPG5	1.21095	1.54234	0.348983	0.673007
PHLDB3	8.40822	8.38154	-0.00458477	0.997552
ILK	60.9955	58.9719	-0.0486752	0.970533
PER2	1.81805	2.66368	0.551026	0.115142
NUDT15	8.93453	16.1196	0.85135	0.00153868
CERCAM	72.8415	63.9466	-0.187892	0.711825

BIVM,BIVM-ERCC	16.6332	14.2538	-0.222717	0.673957
TMED10	24.5535	23.5925	-0.0575973	0.947795
PCNA-AS1	44.9199	77.2526	0.782228	0.677324
HOXA11-AS	1.86476	1.68526	-0.146014	0.926279
FAM21B	1.04068	0.897698	-0.213218	0.79557
SDHC	34.516	31.7685	-0.119671	0.859038
RBM33	3.57854	2.42076	-0.563913	0.055778
CCDC171	0.343329	0.170002	-1.01404	1
C12orf43	5.98297	10.9161	0.867523	0.00380811
KIAA1143	8.23495	7.15224	-0.203366	0.677324
RFC5	11.9638	15.4033	0.364567	0.321566
TMEM14C	156.939	122.119	-0.36192	0.276711
WDR36	6.24128	8.63284	0.467992	0.114535
TRAPPC2	10.6441	10.8608	0.0290791	0.977897
RSPH4A	0.198309	0.271409	0.452717	1
SARS2	15.5086	16.3387	0.0752252	0.975484
MAP3K1	0.758614	0.549299	-0.465776	0.355977
NLRP11	0.375015	0.194149	-0.949781	0.143894
RPAP3	4.86496	6.31307	0.375914	0.302656
HOXB6	5.57171	7.73199	0.47272	0.438793
PIK3C2B	1.36623	0.789553	-0.791097	0.0280907
COPRS	107.076	157.767	0.559164	0.0410754
ARL8A	23.3373	24.2926	0.0578787	0.952184
ESYT1	35.2633	27.5749	-0.35481	0.286272
ZNF548	1.29602	0.887604	-0.546097	0.210405
ADNP	10.3783	8.80675	-0.23689	0.591514
LOC100527964	1.51966	1.8404	0.276271	0.794035
SLC16A3	200.918	187.384	-0.10061	0.890489
POLR1E	37.1265	35.8075	-0.0521868	0.954971
RAD23B	47.797	59.0499	0.305015	0.415024
RIMBP3C	0.0322321	0.0352255	0.128122	1
BNC2	0.772441	0.32782	-1.23652	0.00153868
TNFSF12,TNFSF1	15.5121	10.4803	-0.565713	0.129497
CETN2	28.146	31.3004	0.153249	0.800413
TMEM203	62.8356	97.8642	0.6392	0.0117316
STX8	38.4792	31.4203	-0.29238	0.485278
ZDHHC23	3.24496	4.02673	0.311407	0.505536
PRR3	5.43245	9.03628	0.734126	0.454898
MSH6	6.38125	10.6169	0.734449	0.115387
TP73	3.18242	4.18656	0.395643	0.342599
TMEM243	13.7928	19.3359	0.487369	0.361239
DAPK3	119.148	102.469	-0.217576	0.633281
NCOA1	1.88326	1.87054	-0.00977475	0.994204
SOX12	18.2899	18.1406	-0.0118199	0.992304
C5orf15	10.2657	10.7623	0.06815	0.940466
EBF3	0.0445116	0.0765941	0.783052	1
GRHPR	112.209	97.4537	-0.203395	0.677324
DOPEY2	1.44627	0.893127	-0.695405	0.0653297
SEPT8	8.58328	10.0754	0.231235	0.630883

USP31	1.52204	2.18511	0.521701	0.111734
NCK1	6.19286	6.00213	-0.0451333	0.969625
ADAM32	0.0235884	0	#NAME?	1
ALCAM	6.01053	6.35882	0.0812662	0.92475
PPIG	6.97097	8.30658	0.252896	0.59512
TRIM3	3.36718	5.90374	0.810087	0.0130226
CDKN3	33.8737	24.9894	-0.438846	0.200395
MMACHC	3.81589	4.03761	0.0814811	0.986681
ZDHHC2	6.24414	4.31779	-0.532211	0.0874559
PDZD2	0.00259836	0.0019531	-0.411837	1
IRGQ	2.07473	4.35275	1.069	0.00153868
SETMAR	4.9066	5.68595	0.212678	0.784885
MYL6B	113.758	99.7582	-0.189457	0.710227
GMDS	17.3938	16.7756	-0.0522088	0.958462
CROCC	5.2989	3.53353	-0.584583	0.0667647
RHOQ	15.0635	10.9313	-0.462591	0.194669
LAMTOR4	268.594	314.516	0.227704	0.612746
TRAF7	32.1295	30.7169	-0.0648678	0.952355
RAB5B	9.99084	11.8611	0.247562	0.572669
IFT52	12.1778	9.4595	-0.364417	0.347606
C17orf104	0.0847626	0.131334	0.631744	1
MTFP1	125.917	113.075	-0.155193	0.782868
RLIM	4.28482	3.44373	-0.315264	0.388363
PRSS53	3.96462	3.57983	-0.147292	0.943183
DLX1	4.77343	8.50298	0.832943	0.00820276
CD160	0.118899	0.0972854	-0.289436	1
SFSWAP	8.52114	12.3031	0.529904	0.0795709
PRPSAP2	20.9429	15.8016	-0.406394	0.211369
MAML1	5.09276	5.99996	0.236505	0.628907
C17orf85	2.57394	2.86561	0.15486	0.8146
ACTR3B	12.2601	15.56	0.343872	0.380319
RFNG	65.8783	64.5363	-0.0296914	0.975928
TRIM66	0.561978	0.304894	-0.882206	0.0259174
ATG2B	1.12455	0.939706	-0.259071	0.639952
KAT6A	3.16501	3.38387	0.0964664	0.900642
FDXR	42.2325	39.137	-0.109821	0.878745
SERINC1	16.764	8.99553	-0.898088	0.00153868
GOLGA5	6.78476	6.03749	-0.16835	0.780362
LYRM4	21.2795	28.5957	0.426333	0.18775
LINC00173	0.21314	0.00914881	-4.54208	1
SLC25A18	0.101143	0.0941536	-0.103314	1
GOLPH3L	5.1605	3.38622	-0.607838	0.0580068
ADRBK2	0.418169	0.504881	0.271858	0.715689
FLJ37201	0.0378561	0.0605156	0.676781	1
CEP57	9.05325	3.72313	-1.28192	0.00153868
FAM122B	4.94937	6.85659	0.470247	0.186334
PFKFB2	1.58533	0.902033	-0.813533	0.0220668
SNRNP70	103.113	197.68	0.938939	0.00153868
WDR82	15.2797	23.3675	0.612886	0.0204286

HERC1	0.585445	0.562511	-0.0576531	0.960067
PLA2G15	10.2746	12.1117	0.237321	0.631137
IBTK	4.45869	3.32409	-0.423661	0.204123
AFTPH	5.84119	5.23971	-0.156774	0.800413
U2AF1L4	2.75194	2.65549	-0.0514738	0.978818
TCP11	0.0184777	0	#NAME?	1
DZIP3	1.02326	0.391465	-1.38622	0.102273
C9orf9	10.0412	4.32938	-1.2137	0.00739414
ATP5L	140.98	150.787	0.0970216	0.912694
ITGB1BP1	26.8574	43.5265	0.696572	0.00274688
OPHN1	1.84169	1.61602	-0.188588	0.7646
ANXA5	252.785	272.888	0.110401	0.878536
FKBP7	1.53258	1.2669	-0.274661	0.931711
ADAM21	0.0813685	0.0752991	-0.111838	1
WHAMM	4.70125	3.86293	-0.283347	0.56059
MKL1	3.83189	5.05814	0.400552	0.668733
SNRNP27	19.5414	21.482	0.136596	0.838532
MT1X	1978.12	2328.67	0.235378	0.619728
WASF2	17.1479	9.33128	-0.877887	0.00153868
TMEM11	22.7354	35.5264	0.643953	0.0285456
SPAG8	0.0764899	0.0409518	-0.901343	1
CKMT1B	12.6054	11.5596	-0.124951	0.948368
GOSR1	5.25928	6.21852	0.241706	0.607473
C10orf68,CCDC7	0.571965	0.216155	-1.40386	0.0329313
PI4KAP2	11.4621	12.0085	0.067189	0.946021
C11orf54	4.11632	2.4345	-0.757732	0.0290262
GMCL1	1.99706	2.25574	0.175721	0.844875
HSDL1	5.97324	5.95302	-0.00489186	0.996244
ZFX	2.01246	2.10273	0.0633035	0.951272
LYG1	2.55398	4.10159	0.683436	0.193924
PGD	108.618	109.209	0.00783336	0.994483
USP32P1	0.123785	0.141951	0.197561	1
TRIM16	3.44222	3.90594	0.182332	0.804694
PGRMC1	92.6908	91.225	-0.0229962	0.981441
ZFAS1	684.474	618.138	-0.147068	0.824392
PRICKLE3	13.2859	14.9588	0.171107	0.802089
USP34	2.76535	2.91252	0.0748082	0.939448
MTPN	34.245	41.2639	0.268987	0.500329
TTC17	7.51403	5.20699	-0.529136	0.0663805
CHIC1	0.938504	0.813536	-0.206158	0.779071
LHFPL5	0.0505474	0.0334136	-0.597201	1
RBM26	6.47016	9.80706	0.600018	0.0360613
RASL10B	9.46175	7.73644	-0.290438	0.527962
CPD	4.12674	3.51887	-0.229888	0.622746
TOMM34	84.3092	100.619	0.255146	0.547145
PI4K2B	2.68904	2.9722	0.144438	0.852189
LCE1F	0.411185	0.268749	-0.61353	0.837545
GPR83	0.180691	0.15586	-0.213268	1
U2SURP	7.82898	9.03878	0.207304	0.666959

PSMB10	40.6516	64.0267	0.655362	0.0204286
SGIP1	0.926431	0.582372	-0.669742	0.153539
RASSF5	0.650567	0.493657	-0.398188	0.646217
FBXO45	3.45383	4.01957	0.218845	0.671837
HID1	16.9229	9.63898	-0.812026	0.00153868
LONRF1	2.99287	2.9905	-0.00114366	0.999234
BHLHB9	0.106567	0.209317	0.973926	1
NACA	1150.27	1184.36	0.0421413	0.967296
TTLL12	52.2157	63.4557	0.281266	0.473009
DLG1	3.3988	3.61964	0.0908195	0.917306
KIAA0226	2.70995	3.75436	0.470304	0.574478
RAD51B	5.08364	2.28174	-1.15573	0.00274688
ARMC1	10.5853	11.0575	0.0629684	0.944479
ZNF827	0.247518	0.141251	-0.809269	1
ZFP64	5.60152	5.33024	-0.0716165	0.945208
C12orf73	2.62259	3.19144	0.283215	0.700356
BAG2	21.0475	40.1543	0.931908	0.00153868
GNAL	3.35504	3.00329	-0.159784	0.923624
PEMT	67.6583	75.9925	0.167589	0.774294
PNPLA6	27.9698	33.8586	0.275653	0.491072
MPHOSPH10	8.5103	11.7012	0.459368	0.150143
FN1	0.0235344	0.0250672	0.0910313	1
PAAF1	15.3272	7.51631	-1.028	0.375852
YWHAQ	147.898	173.053	0.226611	0.623292
CHAF1B	8.22395	5.7546	-0.515117	0.14872
AK7	0.177546	0.0718686	-1.30476	1
NCOA6	3.05622	3.96343	0.375001	0.343199
C6orf164	0.110904	0.0492714	-1.17049	1
PRMT7	11.7744	14.0585	0.25579	0.601631
JAK1	13.9642	12.3233	-0.180347	0.77453
C4orf33	4.78249	2.03727	-1.23112	0.00153868
CEP164	2.40748	2.4411	0.0200026	0.987448
NOB1	137.685	93.6228	-0.556441	0.0388971
PRMT10	2.11331	1.84936	-0.192475	0.806525
CHMP2B	16.0007	12.5875	-0.346143	0.330706
PIK3R1	0.94582	1.0653	0.171625	0.839812
LAMP2	12.382	9.65575	-0.358779	0.292
TRIB2	0.826269	0.979963	0.246115	0.806525
ETFB	91.5325	79.3578	-0.205912	0.667013
CCNK	15.9341	14.5985	-0.1263	0.935543
ROCK1	2.47894	2.80418	0.177852	0.773367
DHRS4L2	12.6949	11.1693	-0.184705	0.780101
CEP68	2.56732	2.50446	-0.0357603	0.992304
LOC654433	2.34864	1.8937	-0.310618	0.765759
SUOX	5.25562	6.43392	0.291839	0.574558
MBD6	11.6674	8.78759	-0.408941	0.759263
POLR2J2,UPK3BI	44.4332	37.1099	-0.259835	0.541525
CAMK1D	3.51953	2.59429	-0.440043	0.417991
SELO	23.07	29.4241	0.350982	0.35231

SPATA20	34.8461	27.3854	-0.347593	0.330706
CDC25C	5.06043	2.43765	-1.05377	0.00274688
ANKRD46	3.43064	3.52503	0.0391582	0.975484
CPSF7	14.4504	18.4208	0.350226	0.313
FUBP3	20.3023	28.2954	0.478924	0.0973224
SKAP2	3.88711	1.98338	-0.970736	0.00153868
MYH14	4.78036	3.8395	-0.3162	0.466918
LOC286467	0.855224	0.685164	-0.319852	0.72151
RALGPS1	0.854444	0.613944	-0.476878	0.538465
B3GAT3	33.4335	48.3779	0.533053	0.0525851
DUSP14	36.0343	45.5713	0.338755	0.347897
EPB49	18.6126	14.26	-0.384301	0.284754
ADCK5	19.2432	21.2293	0.141709	0.949401
CPVL	12.0138	9.54219	-0.3323	0.41867
ACAD10	2.0387	1.33432	-0.611542	0.151114
MMP15	6.35202	8.20046	0.368489	0.357726
RAPGEF3	0.539109	0.219188	-1.29841	0.0111246
DR1	15.0554	17.8842	0.24841	0.562208
TMCC1	1.06064	1.16749	0.138481	0.883608
MFSD10	158.58	154.95	-0.0334149	0.974093
ASAH2B	0.192766	0.0175346	-3.45857	1
ZNF282	22.3083	24.2246	0.118895	0.86364
GJA3	0.707484	0.816523	0.206796	0.831614
RNF138	7.97292	9.06061	0.184501	0.740538
SDE2	3.97713	4.52153	0.185083	0.76719
IKBIP	12.5879	13.2921	0.0785238	0.937886
PDCL3	14.9649	30.9322	1.04753	0.00153868
C1orf56	4.42919	2.38989	-0.890096	0.761305
GTDC1	1.41361	1.09252	-0.371728	0.588875
HNRPLL	7.59694	6.70573	-0.180025	0.757021
C14orf159	6.27798	5.0026	-0.327622	0.479652
SYAP1	23.0576	24.8768	0.109556	0.873722
ANO10	7.26618	5.07202	-0.518636	0.145411
GTF2IRD1	18.9684	9.51693	-0.995031	0.00153868
CCDC101	11.8979	11.0647	-0.104739	0.917038
TRUB1	4.07109	4.94959	0.281893	0.547145
QARS	89.1978	80.2725	-0.152103	0.789671
C15orf61	12.3516	11.5909	-0.0917027	0.968154
PMS2P3	0.929431	0.917472	-0.0186834	0.994068
ZNF480	1.44368	1.4872	0.0428485	0.971779
GGNBP2	13.1633	10.3107	-0.352377	0.33256
TCEANC	0.306827	0.217693	-0.495132	1
CD320	261.798	359.276	0.456636	0.124935
IFT80	2.05617	1.41007	-0.544188	0.15329
CHP1	45.8192	38.6249	-0.246421	0.559
PCMTD2	5.19554	3.37026	-0.624412	0.0451232
PRDM15	0.609884	1.49994	1.2983	0.00153868
PPA2	40.5386	31.5509	-0.361616	0.27751
POLG2	5.41765	7.02397	0.37462	0.416867

PRPF8	35.6979	34.2769	-0.0586026	0.948523
CYP2D6	1.32749	1.21209	-0.131205	0.942801
ZNF579	29.5329	26.6106	-0.150321	0.823458
ZNF486	1.58755	1.18755	-0.41882	0.402903
GLB1,TMPPE	26.9306	21.3375	-0.335856	0.337742
DOCK9	0.879502	1.02018	0.214069	0.771286
ZNF251	7.38154	7.91625	0.100895	0.897332
PAF1	13.5546	19.0771	0.493058	0.105364
PHF21A	2.99878	1.4123	-1.08634	0.00153868
RNF214	3.35271	1.68296	-0.994327	0.112314
SLC6A16	0.160208	0.204739	0.353846	1
ARRB1	4.90029	6.85794	0.484908	0.100739
RALB	18.7348	19.2263	0.0373629	0.969439
AGAP8	0.70376	1.12152	0.672296	0.757635
ULK1	6.40004	3.34846	-0.934584	0.00153868
ZNF649	0.131348	0.194947	0.569692	1
ABTB1	16.957	6.36974	-1.41257	0.00153868
MRPL22	11.8568	12.2395	0.0458297	0.961424
CCT4	101.745	117.757	0.210852	0.653588
NCS1	46.4436	61.4924	0.404928	0.201515
PCTP	8.4504	8.09063	-0.0627667	0.952184
DDX55	9.19523	11.6629	0.342975	0.361509
FAM105A	0.810362	0.829672	0.0339753	0.978678
DCTN4	11.763	7.66079	-0.618695	0.0187307
MTMR12	3.65574	4.17424	0.19135	0.740088
AASDHPPT	13.0394	17.8283	0.451297	0.141482
BRICD5	4.50039	5.25651	0.224055	0.969678
ACN9	11.3832	15.6396	0.458302	0.166833
AMFR	30.9322	27.1155	-0.189994	0.704283
LRP12	3.11179	2.69514	-0.207383	0.735532
PTPN3	5.42542	5.195	-0.0626104	0.945208
ZNF783	2.0522	1.7902	-0.197055	0.804859
SHROOM2	0.486398	0.474221	-0.0365773	0.981441
RNF145	28.7885	32.7889	0.187716	0.720751
SLC26A7	0.0163248	0.00651076	-1.32617	1
AASS	5.05378	4.73311	-0.0945741	0.904905
PRRG4	2.2817	3.7305	0.709258	0.020985
WASH1	5.61956	4.03626	-0.477437	0.312715
PPP2R1A	191.255	189.262	-0.0151095	0.989036
IFNAR1	5.28723	4.89939	-0.109912	0.879478
SDR39U1	46.3476	44.7603	-0.0502755	0.976285
PRORS1P	0.462777	0.30704	-0.591891	0.527577
ZSCAN29	3.16252	3.5168	0.153187	0.816962
FA2H	2.32193	1.14519	-1.01974	0.0360613
SPATA24	1.79317	1.05453	-0.765914	0.342315
CDC42BPB	9.39584	10.244	0.124691	0.852189
EFNB2	1.12517	1.42407	0.339877	0.562754
TMEM18	17.1903	17.3278	0.0114969	0.992304
SFXN1	12.9106	14.1494	0.132186	0.841165

NR1H2	33.0414	37.4284	0.17986	0.734343
HIST4H4	0.778593	0.407198	-0.935139	0.703707
HOXA11	5.18293	10.9892	1.08425	0.00153868
NETO2	11.8039	22.5457	0.933583	0.00153868
ATP6V1D	27.1092	30.728	0.180768	0.726019
PDCL	4.31566	4.83719	0.164588	0.810757
TTC32	3.54618	2.5314	-0.486326	0.472305
RNF216P1	10.1497	13.8611	0.449607	0.197245
PPM1L	0.361871	0.256447	-0.496814	1
KIAA1683	0.0181352	0.035697	0.977006	1
PKP4	8.0353	7.71559	-0.0585749	0.948523
HSP90AB1	814.082	1037.9	0.350422	0.399313
B3GNT9	8.59988	9.10282	0.0819971	0.954143
RPUSD4	21.4455	23.2312	0.115385	0.863994
NSUN3	1.37038	1.03559	-0.40412	0.806525
TAF1B	4.03267	3.69538	-0.126012	0.879418
TTL6	0.0512214	0	#NAME?	1
PET112	13.3465	11.4639	-0.219371	0.669502
ADNP2	9.60242	7.84923	-0.290847	0.461803
PPP1R8	20.0665	25.81	0.363141	0.284835
EXOSC10	20.3265	21.6846	0.093304	0.900642
NGEF	12.0404	4.61932	-1.38213	0.00153868
NUP54	12.1143	14.1016	0.219149	0.653456
CEP250	9.48681	8.3635	-0.181817	0.722089
TAMM41	7.44938	8.5892	0.205402	0.765267
LETMD1	42.2517	18.8028	-1.16806	0.00153868
SLC35G6	0.0486551	0.0753936	0.631852	1
RAB12	10.9941	14.718	0.420847	0.224796
WDR47	1.60955	1.71709	0.0933085	0.931145
BID	30.1197	40.472	0.426215	0.169914
CCND2	22.4067	28.5964	0.351905	0.296617
CYFIP1	44.1186	38.5999	-0.192788	0.698989
NUP133	9.27386	8.33892	-0.153309	0.795943
ZFYVE19	20.2118	16.3588	-0.305132	0.620568
NT5E	0.721458	0.569836	-0.340368	0.680951
SRSF9	275.557	295.788	0.102211	0.897332
RASGRP1	0.720879	0.475439	-0.600497	0.25951
NENF	128.233	131.753	0.0390685	0.967458
RRN3	13.2312	16.1025	0.283339	0.468168
NUDT17	1.55563	1.07999	-0.526488	0.892475
GLE1	32.5828	24.2961	-0.423386	0.15618
LOC100127888	1.01468	1.21666	0.261898	0.969535
RPL36AL	553.575	816.314	0.560345	0.0451232
FZR1	22.6129	19.376	-0.222874	0.643442
SLC2A4	0.657365	1.18034	0.844437	0.125383
RFX7	1.86371	1.86311	-0.00046381	0.999404
RGS5	0.368651	0.213386	-0.788791	1
ACTR6	12.236	8.92599	-0.45505	0.177395
KDM1A	50.7848	59.9104	0.238411	0.588302

AP1S1	160.217	199.169	0.313971	0.386092
SLC9B2	7.28364	5.83128	-0.320847	0.430137
TSTD3	0.879142	0.500794	-0.811878	0.180946
PITRM1	22.0585	20.9509	-0.0743194	0.92921
HEXB	64.1435	45.7276	-0.488238	0.553903
LOC100126784	3.75809	1.54259	-1.28465	0.126915
CYP4F2	0.0148392	0.0203626	0.45651	1
CENPV	63.1012	90.9906	0.52805	0.0650492
SMARCD1	22.3962	29.3474	0.389976	0.221358
UBXN2B	5.34084	5.07056	-0.0749229	0.933736
C19orf12	4.58177	4.91456	0.101159	0.899998
ARMC8	3.69969	4.87169	0.397018	0.298867
ELL	10.4754	10.6505	0.0239119	0.980228
ACAD9	12.9264	15.2802	0.241337	0.609802
IL17D	2.38174	3.11406	0.38678	0.590376
PPA1	191.012	215.332	0.172899	0.751293
SRCAP	5.25217	8.31967	0.663611	0.00897284
PELP1	19.4173	24.3293	0.325349	0.355826
PQLC1	38.6356	48.9733	0.342062	0.331035
ERVK13-1	1.0012	1.44556	0.529895	0.162206
BNIP1	14.3616	14.1557	-0.0208356	0.984547
RNF215	17.6498	9.38377	-0.91141	0.00153868
HSBP1	52.9868	77.2721	0.544313	0.0523053
BCAR3	5.62852	3.59066	-0.648507	0.0541611
DYRK4	11.732	9.13457	-0.361038	0.371609
SLC2A12	0.508008	0.328713	-0.628019	0.237712
NFKB1	6.87375	10.9466	0.671315	0.0103919
PHTF1	1.97751	2.81146	0.507635	0.200956
COG5	11.9386	7.07059	-0.755731	0.0143403
LOC731275	0.386007	0.214561	-0.84724	0.229949
COX6C	326.244	384.963	0.238768	0.596588
NRDE2	1.88219	2.17174	0.206443	0.767724
G3BP2	15.1396	18.5764	0.295142	0.437985
POMZP3	8.09979	12.0508	0.573172	0.363274
CCNC	22.064	25.8381	0.227807	0.607271
RPL23AP82	5.08454	6.0391	0.248216	0.843427
SLC25A38	44.1828	52.2911	0.24308	0.571227
KLF15	4.4504	2.39828	-0.891935	0.0232503
C1GALT1C1	8.4722	10.8808	0.360976	0.355674
ACBD5	5.81023	5.18172	-0.165165	0.783531
HABP4	14.7749	15.8938	0.105314	0.886094
CCDC85C	17.0445	26.9052	0.658576	0.0484091
SF3B1	31.3381	30.0676	-0.0597096	0.945416
FRAT2	14.2809	18.9153	0.405465	0.269836
SLC31A2	8.1191	12.7741	0.65383	0.0403493
ANGPTL6	3.27459	5.17206	0.659424	0.513296
TCEAL8	43.0163	31.5868	-0.445559	0.14872
USP12	6.50211	7.17874	0.142824	0.818403
NOM1	7.54411	11.1417	0.562551	0.0365493

RAB1A	40.571	45.5241	0.16618	0.782703
PURB	3.81566	4.86607	0.350825	0.317407
UFL1	4.20266	2.91525	-0.527686	0.103973
CTNNBIP1	7.04292	7.45036	0.0811364	0.93305
ATAD1	10.0608	8.93526	-0.171159	0.761614
COX17	85.7443	121.929	0.507928	0.106507
KLC4	4.82496	2.92163	-0.723744	0.0467998
KANSL3	7.07277	8.17388	0.208747	0.684817
CREBRF	1.73575	0.478013	-1.86044	0.00153868
SF3B2	80.1677	89.702	0.162119	0.775951
MBNL1-AS1	0.102783	0.147539	0.521493	1
TMED4	35.3133	35.9708	0.0266145	0.978996
TNRC6C	0.418181	0.37474	-0.158239	0.917927
CNOT2	16.9079	14.9388	-0.17864	0.732286
ODF2L	2.95035	2.33854	-0.335279	0.458976
ATP5C1	224.047	232.362	0.0525773	0.953159
INCA1	0.495502	0.531051	0.099958	0.967296
HMG20A	6.58034	5.39883	-0.285516	0.502644
STMN3	18.0428	25.1832	0.481041	0.124935
DHRS7	53.4784	38.2784	-0.482425	0.0952042
ZNF24	5.32938	5.60342	0.0723401	0.933712
ARMCX6	31.4166	26.9557	-0.220936	0.690755
PHF14	4.038	5.54678	0.458008	0.215771
CAPN12	14.3874	17.7715	0.304756	0.859038
OTUB2	1.0128	0.62347	-0.699953	0.161616
SLC41A1	11.7007	16.6751	0.511106	0.068345
C1GALT1	3.29101	2.64625	-0.314581	0.447486
MPP5	4.4071	5.48014	0.314382	0.411326
TICAM1	14.1277	20.7861	0.557086	0.0588451
MSX1	19.7808	37.9653	0.940581	0.00153868
ATP6V1C2	0.212251	0.309629	0.54477	1
CCNT2	2.41402	2.42784	0.00823474	0.994593
MFSD3	45.9526	46.2565	0.00950895	0.994068
SNX16	2.59079	2.14809	-0.270334	0.643053
KIAA1211	2.31892	1.1135	-1.05836	0.00274688
NFX1	6.30681	5.25498	-0.263225	0.557974
COQ2	14.4394	12.7748	-0.176711	0.775691
RPS26	2182.35	2171.3	-0.00732333	0.994734
IQCK	2.61693	2.09728	-0.319354	0.811287
GPN3	22.0096	20.9215	-0.0731496	0.956177
RPS6KB2	48.3823	70.126	0.535471	0.0487873
CLCN6	2.40565	2.04914	-0.231408	0.857492
PRKAA1	5.02201	5.22091	0.0560385	0.952978
WDR16	0.105574	0.0279662	-1.9165	1
CAMK2G	5.52084	6.11824	0.148227	0.835568
DDAH1	19.833	19.1231	-0.0525861	0.953524
EPS8L1	8.61347	9.13878	0.085407	0.938335
ITGAV	2.13728	2.04377	-0.0645443	0.950251
C1orf204,VSIG8	0.0288769	0.0227567	-0.343624	1

ITM2B	46.8343	36.0062	-0.379319	0.238328
SMYD5	21.3913	28.43	0.410387	0.202725
LINC00482	0.0611507	0.0176713	-1.79096	1
LHX3	0.40132	0.204124	-0.975308	0.392586
ASGR1	14.8839	7.1127	-1.06528	0.00153868
USP40	3.48991	2.62412	-0.411354	0.287782
PGM5-AS1	0.174365	0.123375	-0.499058	1
CHCHD7	18.7185	27.0565	0.53151	0.0605998
ZFAND6	26.3743	21.9801	-0.262938	0.532767
F11R	4.76745	3.85344	-0.307071	0.468557
STOX1	2.54699	1.76862	-0.526173	0.558755
MAP2	0.0743405	0.030734	-1.27431	1
C6orf120	5.97315	5.79521	-0.0436319	0.977897
GLT8D1	14.6429	13.5612	-0.110719	0.975928
HOXC10	6.80166	5.53237	-0.297989	0.604499
BIRC5	36.8897	59.2687	0.684051	0.0111246
SLC39A9	12.3449	12.5514	0.023943	0.983971
ETFDH	2.82276	3.14092	0.154081	0.862733
FBXW5	136.83	163.496	0.256869	0.535826
ZNF644	6.60303	6.43812	-0.0364875	0.975492
S100A6	2406.39	2922.56	0.28036	0.510787
NDC80	9.43282	6.78575	-0.475181	0.15329
POLQ	0.591366	0.743993	0.331237	0.552635
NHLRC3	2.82188	1.74381	-0.694413	0.0442243
ACVR2B	1.22011	0.964266	-0.339511	0.465909
ARV1	6.40895	5.95167	-0.106793	0.911712
ZBTB39	1.64044	1.49635	-0.132633	0.878705
ECT2	9.54774	10.6822	0.161972	0.774294
TNKS1BP1	11.0307	10.1497	-0.120099	0.860719
KAT7	8.76782	5.97044	-0.554381	0.0605998
PGPEP1	6.89173	3.84481	-0.841955	0.00153868
FAM104A	12.9544	12.8135	-0.0157875	0.991167
MURC	0.167254	0.249952	0.579608	1
RIOK3	10.2105	4.43343	-1.20356	0.00153868
TATDN2	7.40639	12.3185	0.733987	0.00478151
NIF3L1	18.1326	19.5097	0.105605	0.894373
SOCS6	2.12053	1.92256	-0.141401	0.853105
MED21	5.09325	4.66226	-0.127559	0.872321
LOC550112	6.03469	3.0068	-1.00505	0.00153868
PRKRIR	10.9749	14.1865	0.370315	0.274831
METTL2B	6.20773	7.62811	0.297258	0.527001
CASP8AP2	0.483715	0.667546	0.464708	0.346798
POLR2A	10.8425	15.6703	0.531341	0.0515699
COX7A2	256.904	285.501	0.152266	0.789353
CCNT1	3.94909	4.44246	0.169839	0.773721
GRK4	0.537843	0.333178	-0.690892	0.408319
TPR	4.81704	4.8429	0.00772396	0.995209
WDR3	11.9695	18.603	0.636176	0.0123712
FBXW4	22.8759	13.894	-0.71937	0.00739414

HEATR1	5.88684	7.44167	0.338133	0.501582
BGLAP,PMF1,PM	41.9779	43.4236	0.0488487	0.959716
NDUFA5	31.8265	29.3972	-0.114548	0.864901
FAM122C	0.646282	0.181333	-1.83352	0.244537
EDC4	14.4275	17.6191	0.288324	0.46089
TERF2	10.7918	9.6984	-0.154111	0.804526
PMS2P5	3.08047	2.2991	-0.422079	0.538451
COPS6	156.834	184.074	0.231047	0.607733
LRRC8E	15.5422	15.8466	0.027986	0.977897
KIF14	1.20912	1.35829	0.167834	0.818403
CCDC25	11.8186	10.0415	-0.235078	0.60666
SACS	0.767828	1.27947	0.73669	0.00739414
SLC22A1	0.0700618	0.116507	0.733718	1
MEIS3	57.4272	41.3603	-0.473486	0.0999674
FKBP8	266.138	241.44	-0.140514	0.818547
PCBP1	188.682	257.795	0.450266	0.136495
RABGAP1	4.41453	4.28784	-0.0420085	0.968157
LDHB	817.287	898.684	0.136972	0.83928
BEND3P3	0.0186678	0.0157352	-0.246552	1
NONO	157.52	141.244	-0.157344	0.838861
TRMT5	4.67511	5.02271	0.103466	0.893895
TRIM28	181.277	311.825	0.78254	0.00380811
RPS15	4962.9	5333.08	0.103787	0.890133
FAM131A	17.0202	9.22041	-0.884349	0.0259174
HOXC11	5.9764	6.94587	0.216878	0.773159
TMEM50B	7.50701	9.56265	0.349173	0.754065
SLC16A4	0.0765087	0.0962992	0.3319	1
ZMYND10	0.743778	1.42725	0.9403	0.109539
CSNK1E	68.6295	63.0084	-0.123286	0.847739
INTS2	1.77253	1.52299	-0.2189	0.726104
CBL	3.07525	2.89442	-0.0874306	0.91609
ZNF511	31.0677	35.9002	0.208578	0.883974
GABARAP	342.27	250.099	-0.452634	0.130345
NRIP1	0.502831	0.419583	-0.261118	0.739517
DDT	254.256	267.54	0.0734751	0.933523
CBX7	10.3509	6.55698	-0.658654	0.0192959
FPGT,FPGT-TNN	1.46371	1.1756	-0.316226	0.572361
FAM49B	21.0776	26.7889	0.345929	0.303774
TRIM36	2.16133	1.74275	-0.310558	0.532767
PITPNM1	15.0516	23.2877	0.629653	0.0181648
RBM23	24.1674	35.8928	0.570633	0.0434002
ABCC10	2.18992	4.34503	0.988485	0.00153868
SNAPC1	5.75099	5.19168	-0.147608	0.835886
ASH1L	0.96275	1.1007	0.193185	0.900639
C1orf123	27.6214	19.5379	-0.499512	0.296679
ITCH	4.25241	3.77927	-0.170173	0.769834
SLC25A29	41.0052	36.5786	-0.164809	0.76721
C17orf67	1.25656	1.74708	0.475461	0.459236
PAIP1	34.2547	32.6747	-0.068126	0.936655

DKFZp779M0652	1.10922	0.661797	-0.745085	0.611333
FAM203A	1.83113	3.70489	1.0167	0.0117316
RAB10	26.2713	27.8063	0.0819241	0.91609
PTCD3	10.7112	10.0876	-0.0865435	0.908661
IL17RC	15.2922	8.90223	-0.780556	0.0103919
ECSIT,ZNF653	40.0702	42.8355	0.0962766	0.908098
CCT8	179.208	191.156	0.0931124	0.901751
GPR125	4.96648	8.74521	0.816269	0.00153868
ARID1A	4.06305	3.84967	-0.0778281	0.930048
POLR1D	229.985	172.256	-0.416987	0.20933
CEP72	7.95501	5.82271	-0.450173	0.241813
SEC22C	7.82964	7.18999	-0.122956	0.951036
NSFL1C	19.607	26.6556	0.443072	0.141952
TENC1	0.712063	0.372927	-0.933112	0.902527
TMEM63C	1.28425	1.0799	-0.250036	0.737556
CASP6	10.2128	8.96925	-0.187316	0.775951
MSMP	1.76346	1.33616	-0.400315	0.845932
ADA	21.1869	16.3974	-0.369709	0.331994
CETN4P	0.171686	0.0723374	-1.24696	1
ITPR2	0.352187	0.294214	-0.259478	1
THOC3	17.2732	16.2044	-0.0921455	0.913358
FBNP4	7.96226	9.92247	0.317521	0.392176
LOC100129138	0.0834065	0.112056	0.425986	1
MEGF8	1.42687	1.82103	0.351904	0.435678
MANF	71.6524	135.674	0.921062	0.00153868
PPP1R11	38.8331	36.6875	-0.081998	0.91634
DERA	16.41	9.9541	-0.721209	0.0103919
TAF4	4.15077	4.48299	0.111079	0.900642
SUZ12	9.49719	10.904	0.199291	0.693923
CDC27	6.76135	7.53708	0.156695	0.782703
DNPEP	44.7107	39.5175	-0.178128	0.736595
RABL2B	6.92544	8.18629	0.241303	0.724216
MPPE1	8.2043	6.02744	-0.444835	0.691588
PLA2G10	0.0743991	0	#NAME?	1
HAUS3,POLN	1.73618	1.81359	0.0629352	0.953159
TANC1	1.74715	2.14771	0.297794	0.53682
TRIOBP	9.8951	9.14881	-0.113129	0.91207
CCDC74A	12.4986	10.0893	-0.308935	0.924033
C2orf69	3.78511	4.84649	0.356604	0.374271
TNKS2	3.38933	3.07248	-0.141595	0.836427
MKRN2	10.2449	8.08744	-0.341146	0.744176
C1orf216	7.96423	16.5205	1.05265	0.00153868
GVINP1	0.00774115	0.0101671	0.393283	1
FPGS	124.687	136.09	0.126251	0.843686
PDGFRL	4.36716	3.45889	-0.336386	0.55213
HADHA	90.3589	78.7262	-0.198823	0.692701
CTU2	18.0012	47.5557	1.40152	0.0181648
ZNF525	0.959396	1.16241	0.276922	0.648626
KDM3B	7.07688	6.73536	-0.0713592	0.934861

SLC16A5	6.11899	2.41362	-1.34209	0.00153868
MED31	8.03052	12.1134	0.593041	0.62768
FAM171A1	14.5726	16.116	0.145232	0.8146
MSANTD4	3.73108	4.10126	0.136474	0.851768
FAM174B	8.0327	9.55396	0.250214	0.628088
MIEN1	88.5298	110.314	0.317377	0.398652
PPP6C	16.2493	17.1559	0.078332	0.922274
LRRC40	3.89998	3.61537	-0.109324	0.897319
ASNSD1	17.4355	22.6987	0.38058	0.243499
CHSY1	3.60121	5.47901	0.605434	0.0475987
ACTB	1710.49	2593.18	0.600313	0.0523053
FAM189B	60.0117	52.0441	-0.205508	0.670511
APOA1BP	137.198	139.583	0.0248571	0.979451
DPEP1	0.183912	0.136761	-0.427362	1
PTCD2	2.6487	2.00855	-0.399128	0.469232
MRPL19	7.51776	8.75728	0.22018	0.637815
LRP5	11.3613	14.758	0.377367	0.267401
DNPH1	187.778	173.062	-0.117739	0.863898
MED30	32.24	22.3543	-0.528302	0.0995082
TSGA10	0.152224	0.0788138	-0.949674	1
STAT2	5.79824	4.35771	-0.412044	0.226511
MYD88	13.0324	20.5421	0.656482	0.0123712
DYNLRB1	164.722	179.355	0.122783	0.854032
BAI2	3.10605	3.26743	0.0730751	0.946883
ETHE1	134.585	115.021	-0.226615	0.612808
SLC5A10	0.669153	0.433347	-0.626812	0.890207
PICK1	15.4842	14.4302	-0.101704	0.898731
C2CD2	27.2603	31.9552	0.229246	0.605249
EFNB1	8.05755	10.3895	0.366712	0.355674
CABLES2	1.51206	2.98336	0.980423	0.00659556
TRMT61B	9.2167	9.66226	0.0681105	0.944099
PAPOLA	22.5925	30.6883	0.441843	0.15861
MAD2L1	46.7952	56.4341	0.270205	0.506593
RAF1	18.376	24.5749	0.419362	0.282517
ALS2	3.80578	3.83705	0.011805	0.994068
P DPR	1.83781	1.78356	-0.0432292	0.969087
MAST1	5.02141	3.16545	-0.66568	0.0515699
SETX	4.05808	5.41682	0.416648	0.183406
DGCR6L	75.0854	81.866	0.124732	0.848653
PLEKHM3	0.355996	0.18774	-0.923129	1
CSTB	258.918	305.18	0.237163	0.593786
SUSD1	4.94982	4.97985	0.0087252	0.997552
METTL2A	9.58542	10.961	0.193462	0.725976
FBL	529.786	623.066	0.233976	0.608211
FNDC3A	4.68486	3.46571	-0.434858	0.176195
CCHCR1	9.56757	6.15448	-0.636517	0.0500215
KIAA0100	14.6692	20.1993	0.461512	0.118625
NANS	114.801	152.573	0.41037	0.32908
FLRT1	0.114463	0.300266	1.39137	1

SNORA40	26.6958	16.9478	-0.655518	0.7935
TACC3	36.5978	49.582	0.438059	0.155609
TRAK1	3.63167	2.86739	-0.340894	0.435778
STRN	0.915459	0.776946	-0.23668	0.673759
PABPC4	114.921	114.878	-0.000546641	0.999234
C5orf55	3.1842	2.82426	-0.173055	0.872122
TRIM22	0.105366	0.106019	0.00892017	1
ARHGAP44	2.68542	2.55806	-0.0700972	0.987078
PRC1	17.0237	17.8009	0.0644028	0.946416
GNB1	97.2305	98.7868	0.0229091	0.981441
C11orf95	5.07702	5.98896	0.238324	0.648087
ACAD8	14.1314	18.8143	0.412929	0.21812
DNAH14	4.09916	4.36656	0.0911704	0.951036
CCDC132	2.23826	2.40466	0.103452	0.905305
MRAP2	1.2872	0.816474	-0.656753	0.23128
TMEM59	67.0011	47.4425	-0.498006	0.077894
EIF2B4	28.4046	41.404	0.543649	0.0500215
HLF	0.0434389	0.0815624	0.908915	1
COX5B	463.348	435.96	-0.0878998	0.907121
SRP9	117.198	122.99	0.0695911	0.935829
MAST3	3.30642	4.81475	0.542189	0.112565
ABL1	40.0107	40.0398	0.0010482	0.999234
ERICH1	9.61827	12.9688	0.431191	0.233004
UTP20	1.60019	4.10909	1.36057	0.00153868
ARHGAP17	9.37006	11.4402	0.28798	0.490815
SEC23IP	2.80939	4.39751	0.646429	0.0215444
CASP2	11.2339	15.936	0.504433	0.0705331
SLC25A16	2.552	3.01629	0.241145	0.735312
SIRT7	20.4425	24.7606	0.276475	0.54424
UBL4A	24.6642	37.2383	0.594367	0.0290262
TMED8	0.243823	0.156264	-0.641843	1
CAMK1	31.8679	28.017	-0.1858	0.802771
AGGF1	4.07037	3.97701	-0.0334742	0.975484
LOC100129961	0.219922	0.224778	0.0315105	1
RSF1	2.01945	1.51416	-0.415445	0.316689
LMBR1L	9.68574	6.24904	-0.632228	0.0515699
RNF185	19.2162	11.9864	-0.680918	0.00970147
LOC144486	0.140751	0.167851	0.254036	1
DMBX1	1.37481	0.859769	-0.67721	0.249373
EXOC3	13.1304	12.0938	-0.118633	0.868975
PALLD	5.29631	3.86975	-0.452749	0.177395
DLEC1	0.00616383	0.00380822	-0.69471	1
ZUFSP	5.31046	5.55029	0.0637272	0.952184
ADPRM	6.68702	3.56862	-0.905998	0.00478151
SLC7A6OS	11.5062	17.0784	0.569761	0.430137
CALM2	265.147	314.459	0.24608	0.570316
TMSB4X	227.71	254.587	0.160963	0.773016
PICALM	22.0338	19.1823	-0.199945	0.688092
RSL1D1	69.4474	72.3203	0.0584801	0.948152

MESP1	31.664	46.9379	0.567911	0.0976116
SLBP	45.0912	62.6933	0.475466	0.0981523
C1orf151-NBL1,M	95.8039	119.159	0.314734	0.436665
DHDDS	6.71594	8.04496	0.260496	0.578315
USO1	9.37803	7.88599	-0.249993	0.559892
MAPK9	10.0417	15.8461	0.658123	0.0111246
EIF2AK4	7.90091	7.22752	-0.128518	0.846427
ACSL3	9.90212	11.4664	0.211603	0.663013
AKAP8	10.8344	14.1343	0.383589	0.26241
ZDHHC1	4.13007	1.75414	-1.2354	0.00380811
TUBGCP2	21.2654	19.7115	-0.109466	0.905172
LOC541471	395.42	346.542	-0.190355	0.703945
PLK4	4.08675	4.02675	-0.0213358	0.984327
ARHGAP10	4.46345	4.85031	0.119919	0.879055
UQCRH	880.852	931.039	0.0799416	0.921636
BRD1	5.50105	5.81752	0.0806954	0.930466
TCEA3	0.0529271	0.0376938	-0.489679	1
POLR2J3	2.59867	2.22868	-0.221585	0.831535
RARG	10.2648	14.6638	0.514556	0.114327
GSTO2	37.4069	21.3764	-0.807282	0.00572929
NEU1	77.5386	54.9142	-0.497734	0.0795709
ZRANB2	13.893	19.9255	0.520258	0.0691625
KNTC1	1.66228	0.865445	-0.941648	0.00380811
NFKBIL1	37.5572	14.7181	-1.3515	0.00153868
RDM1	1.79394	0.719263	-1.31854	0.0187307
SNX17	41.6928	48.2839	0.211746	0.726583
VASH1	2.23503	2.59665	0.216356	0.731091
BRCA2	0.147025	0.133776	-0.136248	1
MYO5C	0.602662	0.362012	-0.735311	0.115592
NUP205	15.6459	13.7638	-0.184911	0.716797
COQ9	28.934	23.4728	-0.301776	0.736178
RDH11	16.0801	15.6914	-0.0353024	0.972748
RBFOX2	16.2498	9.81641	-0.727157	0.00572929
TMEM143	3.58643	2.04495	-0.810484	0.0637721
ZNF140	6.89093	7.29783	0.0827687	0.92475
EVI5	1.60658	1.74885	0.122417	0.875961
ACO2	21.4994	18.8332	-0.191021	0.883876
SETD7	6.3526	7.56316	0.251641	0.549349
AGO1	3.1472	4.12766	0.391255	0.264777
SP2	4.42924	3.67056	-0.27106	0.635064
ATP2A1	1.09985	0.821912	-0.420255	0.920464
SH3GLB2	135.196	98.5761	-0.455744	0.136495
LIG3	5.4222	5.92936	0.128999	0.860871
RNF216	9.07157	11.1285	0.294829	0.44013
SSR4	435.461	464.355	0.0926832	0.923579
DKKL1	0.605684	0.490374	-0.304682	0.872122
UBR7	9.26233	10.4792	0.178079	0.804859
AP2B1	42.8665	35.305	-0.27998	0.472446
SLC35E3	5.43678	3.1941	-0.76734	0.0232503

BIRC3	0.457992	1.31818	1.52515	0.00153868
RMND1	30.2153	18.4153	-0.714375	0.00572929
SUFU	3.88436	4.64262	0.25726	0.659662
PIK3R3	0.93037	1.49629	0.685511	0.068345
CKLF,CKLF-CMT1	55.4742	49.5647	-0.162503	0.787439
FSCN1	157.385	169.38	0.105969	0.879418
SEC22A	4.07197	3.45952	-0.235154	0.678596
CCNE2	3.44785	5.39383	0.645614	0.473572
FAT2	0.0121033	0.0159458	0.397772	1
FHOD1	8.9944	17.0047	0.918831	0.00153868
CABYR	0.584956	0.725488	0.310624	0.82411
MED7	8.16292	6.96685	-0.228579	0.737085
ADSS	10.1303	12.5246	0.306087	0.437301
RGS10	157.188	123.453	-0.348526	0.297533
RANBP3	22.1172	34.9758	0.66119	0.0150346
IGF1R	2.06777	1.67265	-0.30594	0.481869
TFAP2E	3.67493	6.61823	0.848727	0.0204286
ZNF746	11.9331	12.5491	0.0726056	0.934331
SCD5	13.1942	13.274	0.00869537	0.994204
HPDL	12.6346	29.7219	1.23414	0.00153868
DNAJC17	17.002	19.3129	0.183861	0.890882
NIT2	64.4891	47.8323	-0.431069	0.161007
SLC22A18	13.7929	6.79304	-1.0218	0.00274688
ACAA2	32.1019	17.8681	-0.845271	0.00153868
SENP8	1.55786	0.717803	-1.1179	0.194085
LEO1	7.42783	10.429	0.489587	0.114327
SPA17	7.35146	5.85128	-0.329279	0.898747
RAB5A	13.6199	10.8536	-0.327545	0.373268
GCNT1	0.975159	1.01749	0.0613078	0.960032
MEX3C	6.08708	4.52236	-0.428674	0.221797
MYO18A,TIAF1	9.63455	8.77386	-0.135006	0.872797
ARHGEF3	1.28761	1.21774	-0.0804964	0.948999
CAPN3	1.96736	1.19708	-0.71674	0.221358
RNF11	16.442	14.1841	-0.213109	0.656753
LOC100288069	0.923286	0.60677	-0.605629	0.518305
NEK7	2.99051	2.4923	-0.262917	0.628907
PLCB4	0.578274	0.425722	-0.441842	0.455427
PABPC1	918.762	731.852	-0.328139	0.420597
SCMH1	12.4251	11.5727	-0.102534	0.898731
B4GALT6	3.46505	2.17498	-0.671877	0.0304296
HYAL2	19.0354	38.3852	1.01186	0.00153868
TMEM177	33.8257	48.3397	0.515087	0.0705331
C22orf23	4.41193	4.3658	-0.0151647	0.997552
WDR19	2.67336	1.47906	-0.853972	0.00970147
LSM14A	25.9687	25.1434	-0.0465958	0.960032
NUDT8	42.5982	43.4329	0.0279943	0.98003
FAM109B	2.98108	3.87739	0.379254	0.49983
SLC25A37	25.8181	25.2831	-0.0302104	0.976572
LAP3	26.2114	32.5715	0.313416	0.384397

GNPTAB	2.53204	2.90261	0.197049	0.7419
PTPRN2	2.26896	2.69537	0.248455	0.704283
RIOK1	12.7965	21.0291	0.716638	0.00739414
PDP2	2.19217	4.04197	0.882696	0.00380811
CAPN1	88.4186	77.0027	-0.19944	0.691166
PPP4R1	8.47085	11.5584	0.448361	0.152079
RIC8B	1.51858	2.23222	0.55576	0.250244
SLC24A4	0.00462845	0.00244107	-0.923017	1
CALCOCO1	9.08043	4.10785	-1.14438	0.00153868
RBM34	25.5755	24.6255	-0.0546098	0.952184
LOC440028	1.78046	0.263121	-2.75845	0.142786
TSNARE1	5.32908	2.86355	-0.896079	0.0285456
RPRD1B	6.23608	6.66903	0.0968383	0.900639
GNPDA1	98.8835	64.6336	-0.613446	0.020985
RCHY1	5.64856	4.65437	-0.279295	0.506239
COX16,SYNJ2BP	30.7923	41.9244	0.445223	0.167611
ZYX	326.766	312.972	-0.0622272	0.945208
C11orf84	42.6918	76.207	0.835963	0.00153868
CHMP5	33.2089	22.1642	-0.583338	0.0259174
CREBBP	3.14545	2.87999	-0.127199	0.861472
RAD17	7.49289	6.90483	-0.117918	0.967343
TTF1	8.51046	9.67264	0.184672	0.765267
MUSTN1,TMEM1	5.34552	8.34512	0.642602	0.118625
PLXND1	8.13394	9.05581	0.15489	0.78932
ARHGAP27	6.49406	6.01885	-0.109632	0.895596
PTPRB	0.00737294	0.00314154	-1.23077	1
CDK20	8.11326	9.62127	0.245947	0.648569
TMEM5	9.79524	13.8221	0.496826	0.150143
C11orf57	9.4431	9.12129	-0.0500221	0.975043
JPX	3.11334	3.28093	0.0756427	0.955413
XPNPEP1	30.4334	25.8445	-0.235794	0.608336
BRI3BP	13.5471	27.7332	1.03363	0.00153868
SHANK1	5.1563	4.92934	-0.0649414	0.949726
IL22RA1	0.408023	0.144585	-1.49673	0.0689012
RHOG	53.4732	71.3399	0.415892	0.185432
RAB11A	22.7687	20.0571	-0.182938	0.722833
CRYM	0.837455	0.899938	0.103815	0.96692
NUDT7	4.07306	1.79345	-1.18337	0.0111246
NAV1	1.4498	1.37677	-0.074566	0.939068
CISD2	6.39311	6.41386	0.00467345	0.997314
CLASRP	18.3782	18.1856	-0.0151966	0.990667
RPP14	5.76204	7.04865	0.290767	0.505417
DHODH	6.8712	7.41841	0.110547	0.89536
HOXA5	8.68633	9.66281	0.153695	0.926279
MRPL30	16.8533	16.2683	-0.0509658	0.955832
TBC1D15	5.46005	3.30517	-0.72419	0.00572929
NDUFS5	357.849	459.978	0.362212	0.28349
SORBS3	101.084	85.7972	-0.236556	0.593786
DGCR2	16.5667	18.4248	0.153362	0.795289

UPF3A	14.2556	13.7126	-0.0560274	0.952978
INO80B,WBP1	70.4624	54.2142	-0.378182	0.28912
ARID5B	0.212372	0.0518296	-2.03474	1
LOC100505912	0.216669	0.228932	0.0794298	1
PPP1R3B	15.5367	6.16069	-1.33451	0.00153868
RBKS	2.5968	1.41614	-0.874765	0.729421
TBL2	19.2427	21.2778	0.145042	0.809368
MOCS2	16.3396	24.2368	0.568828	0.0420136
HEMK1	5.05774	3.03194	-0.738252	0.0370145
DCTN1	31.1861	30.8455	-0.015845	0.988114
GPCPD1	3.00591	1.66533	-0.851991	0.00572929
MPP3	5.51766	6.61643	0.261997	0.612247
NOL8	6.54226	6.98473	0.0944164	0.951036
FEZ1	0.0713456	0.0277565	-1.362	1
TTC23	3.14039	2.49843	-0.329921	0.509743
TXNRD3,TXNRD3	3.60515	3.47517	-0.0529765	0.963969
LOC100507564	0.176895	0.00975906	-4.18001	1
HOXB3	3.52512	3.90844	0.14892	0.854216
COLQ	0.487202	0.706007	0.535164	0.460263
PPP3R1	12.2137	14.7744	0.274601	0.491398
PCDHB14	2.87959	2.05226	-0.488646	0.31071
EEA1	1.04766	1.28314	0.292504	0.568282
GMPS	42.0699	36.7034	-0.196872	0.691843
SLC25A3	472.491	503.869	0.0927622	0.906633
SCML1	2.96433	3.17239	0.0978644	0.924931
GABPA	2.93875	2.74054	-0.100742	0.971088
NPW	0.402899	0.394495	-0.0304115	0.994204
CTPS2	3.8476	2.21391	-0.79736	0.0111246
PTMA	1047.71	1488.54	0.506665	0.0894386
H3F3A	393.825	482.96	0.294349	0.453612
NRADDP	0.094491	0.128794	0.446819	1
ZNF687	7.17161	4.96155	-0.531504	0.508906
FGFR2	0.972541	0.655155	-0.569924	0.259419
MED18	11.2105	12.4786	0.154606	0.820912
PDIA3	102.837	126.888	0.303198	0.689613
FADD	29.6914	40.7475	0.456665	0.133324
RNF4	16.8857	24.7985	0.554451	0.0434002
MT1L	1057.12	1211.49	0.196645	0.700133
CTTN	72.1088	89.9391	0.318773	0.380319
FAM177A1	4.5651	5.50343	0.269684	0.572361
NTMT1	131.543	159.642	0.279305	0.775384
UBE2L6	27.3956	25.0209	-0.130812	0.852718
AHCYL1	22.8077	20.0933	-0.182804	0.727839
CRHR1	7.31541	7.52035	0.0398609	0.975928
HOTAIR	0.611293	0.294928	-1.0515	0.511505
FAM35A	4.15978	5.71948	0.459376	0.19024
ZBED4	3.85733	3.75006	-0.0406873	0.968919
CALM1	39.2367	68.7817	0.809823	0.00153868
KIAA1211L	0.238568	0.186421	-0.355837	1

ZMAT2	33.8389	43.5887	0.36527	0.274733
AQR	4.30815	4.34486	0.0122392	0.992298
TTC19	22.7429	19.6918	-0.207819	0.708212
CECR6	0.43986	0.477138	0.11736	0.943284
ENHO	15.3336	15.0281	-0.0290359	0.981441
JUND	112.107	104.599	-0.100006	0.886331
ATP5G3	63.1801	90.1003	0.512062	0.0748376
ARRDC3-AS1	0.103323	0.0754464	-0.453643	1
TRIT1	15.1883	14.5797	-0.0589994	0.948536
BLVRB	160.265	129.668	-0.305634	0.416627
NUMA1	17.6624	11.7666	-0.585989	0.28912
CAPS	2.1969	0.760665	-1.53014	0.721923
SDHD	53.8461	47.7055	-0.174687	0.742045
PTPN21	1.32815	1.1722	-0.180208	0.821693
HELLS	3.30637	6.0643	0.875091	0.00153868
YY1	16.9654	23.4219	0.465263	0.128687
DNAAF3	26.7192	35.804	0.422242	0.186334
ZNF468	2.10941	2.03697	-0.0504157	0.964843
TBC1D10A	13.6022	13.1808	-0.0454008	0.967226
DLG5	4.28812	5.70995	0.413134	0.223482
C9orf172	0.906926	1.40397	0.63046	0.522524
BUB1B,PAK6	15.8789	20.6173	0.376743	0.294282
ZNF516	2.39465	1.54667	-0.630651	0.0541611
MRPL39	47.6171	43.9452	-0.115776	0.868076
NUDCD2	38.2412	36.5819	-0.0639961	0.945416
ACTRT3	1.08895	1.60048	0.555569	0.352954
CLDN14	0.0411154	0	#NAME?	1
WDR89	3.15892	4.07624	0.36781	0.376726
COMMD8	9.92126	9.77159	-0.0219294	0.983664
RNF5	66.4681	44.1473	-0.590337	0.0308509
RNF114	31.1191	22.9645	-0.438394	0.164978
ISCA2	28.4612	22.8358	-0.317701	0.430137
FASTKD2	5.40152	6.76997	0.325784	0.376356
KPNA1	5.65218	8.85973	0.648454	0.0103919
ABCG4	1.35777	2.46564	0.860726	0.0232503
SLC6A8	60.59	61.2712	0.01613	0.987759
LINC00476	4.17277	3.24979	-0.360655	0.770254
PRR11	6.0102	4.10004	-0.551776	0.0588451
ODF2	20.3511	18.8562	-0.110065	0.878806
HSD3B7	32.2737	35.6526	0.143648	0.821371
KARS	75.0427	70.7928	-0.0841082	0.912308
CORO1A	18.7247	19.4997	0.0585075	0.953159
TTYH3	20.3216	19.7912	-0.0381537	0.968712
CSRP2BP,PET11'	17.0156	21.2292	0.319196	0.502162
PDE8A	4.95012	4.7984	-0.0449093	0.967296
CCDC125	2.09886	1.01043	-1.05464	0.00153868
C12orf66	1.06303	0.848953	-0.324418	0.700039
CAMTA1	56.5553	54.8777	-0.0434415	0.96715
HSD17B1	29.4306	31.6197	0.103508	0.884911

TWF2	111.076	95.1688	-0.222991	0.628907
LYRM5	7.78732	5.97568	-0.382025	0.421289
VWCE	0.423073	0.552651	0.385463	0.718411
TMEM182	0.68538	0.495312	-0.468567	0.495709
SEMA4C	11.7987	13.6666	0.212025	0.671663
FAM114A2	3.81487	3.05295	-0.321427	0.499306
ZBTB8A	1.58329	1.24477	-0.347037	0.459016
RING1	36.9934	28.9886	-0.351783	0.322408
NBN	9.98687	12.4123	0.313661	0.386855
ZNF222	3.12809	2.31805	-0.432373	0.416627
GIGYF2	5.7161	5.88999	0.0432323	0.964843
MAP4K1	0.268483	0.0933272	-1.52446	1
MARCH5	10.1388	9.4174	-0.106482	0.879418
MAPK11	13.6091	14.1097	0.0521115	0.95717
MAN1C1	0.0820147	0.0654666	-0.325123	1
CLIC1	547.21	604.053	0.142581	0.822798
DCUN1D1	3.79471	3.66088	-0.0517987	0.962865
BCAP29	9.67983	10.9777	0.18152	0.729162
FBXO7	62.3673	59.9783	-0.0563506	0.949013
YEATS4	26.8913	19.4105	-0.470305	0.134981
PPM1F	11.9449	18.5458	0.634698	0.0137404
PTK6	4.20296	2.08918	-1.00847	0.00659556
SMCHD1	2.81122	2.74607	-0.0338263	0.975191
AKR1A1	125.893	107.376	-0.229534	0.621464
RFX5	15.1228	15.1062	-0.00158222	0.999048
OFD1	4.85594	3.53439	-0.458289	0.196141
BRD3	8.11294	8.22293	0.0194277	0.987759
NUFIP1	2.52064	3.31528	0.395342	0.347688
WDR11	3.83371	3.22409	-0.249852	0.622746
CDC14B	3.87354	2.90429	-0.41547	0.248957
DLAT	4.79434	6.16089	0.361807	0.346329
ARNTL2	3.04223	3.49699	0.200984	0.703507
ACOX1	4.16142	4.35292	0.06491	0.960032
GATS	1.62139	2.38569	0.557178	0.243349
PEX12	1.18414	0.801828	-0.562481	0.333549
TMEM9	70.741	63.4601	-0.156698	0.783426
KRTAP5-10	0.0497013	0.0536837	0.111201	1
CROT	0.632944	0.602993	-0.0699358	0.974777
RILPL2	27.6696	28.2262	0.0287347	0.978016
CNNM3	7.41001	10.4142	0.491004	0.108015
C11orf31	160.367	157.932	-0.0220742	0.991167
ANKRD20A5P	0.0582512	0.0557715	-0.0627596	1
CCDC90A	4.87	6.34259	0.381151	0.286272
PRRT1	2.60758	1.08938	-1.25921	0.0304296
NAT1	1.86233	1.65948	-0.166375	0.877848
RBM25	11.8713	16.7593	0.497488	0.0847952
THUMPD1	4.08135	5.73051	0.489618	0.118625
ANAPC1	6.16272	6.54607	0.0870631	0.9117
PCM1	4.9759	3.49374	-0.510186	0.0799092

TCAIM	6.14201	3.40509	-0.851019	0.00478151
STOML2	304.804	346.427	0.184667	0.72546
GMPPB	6.73718	11.4377	0.763577	0.416068
RIF1	1.98525	2.50947	0.33806	0.378445
CDAN1	4.89286	5.47529	0.162255	0.809647
ASUN	10.2481	7.02254	-0.545294	0.0663805
SCARNA18	11.5659	2.62947	-2.13704	0.802391
CHMP2A	99.3064	91.4953	-0.118188	0.861774
CRADD	9.6932	7.26379	-0.416251	0.362843
ERAP1	2.42945	2.38861	-0.0244579	0.994204
PDXK	16.5154	18.4786	0.162041	0.76757
GNAI3	15.1462	14.5089	-0.0620163	0.943284
FAM169A	2.37917	2.77903	0.22412	0.677271
DNAJB2	33.615	27.9978	-0.263794	0.547788
LYN	10.9691	13.5526	0.305131	0.413789
PLEKHG2	5.56358	5.24193	-0.085916	0.917149
MCM3AP	8.08236	9.50696	0.234207	0.599091
PDXP	45.2455	81.5427	0.849781	0.00153868
PPP1R14B	426.804	582.72	0.449229	0.14863
ZNF341	1.58754	2.75026	0.792773	0.0467998
NUDT21	22.9692	20.2551	-0.181415	0.72342
CDK4	186.911	164.949	-0.180336	0.736417
POLR3E	9.45029	12.3546	0.386613	0.267205
ANKS3	7.33684	9.97555	0.443237	0.268173
DGKQ	5.80516	6.91614	0.252633	0.626914
NADKD1	3.74524	3.61469	-0.0511869	0.961459
KIAA1841	0.325986	0.400394	0.296611	0.757708
S1PR2	5.7594	6.47576	0.169131	0.802771
DOC2A	12.9935	15.2748	0.233362	0.854706
WDR35	2.44389	2.17386	-0.16892	0.786511
SNAP29	6.69777	6.0042	-0.157708	0.794882
RAB3GAP1	8.68991	7.06529	-0.298592	0.439781
MCAM	0.0107625	0.00833842	-0.368167	1
LSM12	59.9186	66.5767	0.152015	0.793752
SRI	65.7128	68.492	0.0597611	0.952184
PDCD7	16.3045	17.0294	0.0627642	0.943735
UBE2D1	10.4908	9.54478	-0.136342	0.836427
SRD5A1	3.34335	2.72408	-0.295524	0.656358
PHTF2	2.39048	2.64322	0.144996	0.854567
TMEM183A	33.53	39.4027	0.232842	0.614872
MED4	14.8557	15.6771	0.0776388	0.929057
STRA13	74.008	136.647	0.884698	0.00153868
SMPDL3B	1.51431	0.781022	-0.955227	0.0962745
CCNL2	29.6533	35.5842	0.263047	0.539479
ACOT13	6.73855	4.68169	-0.52541	0.570298
SOCS3	22.1135	35.12	0.667365	0.0204286
SMU1	9.59838	11.0886	0.208219	0.66042
UBFD1	7.3555	11.6064	0.658019	0.0103919
C11orf45	0.0249908	0.0134517	-0.893606	1

SMARCC1	17.9444	18.8492	0.0709712	0.93053
NCAPG2	8.57104	8.75104	0.0299842	0.975928
TM2D1	25.5224	19.01	-0.425009	0.224562
LOC100288637	1.12189	1.1447	0.0290387	0.981441
FUK	4.08999	3.80022	-0.106012	0.910622
ACTR2	34.8253	33.1553	-0.0708948	0.934861
BLOC1S3	10.757	10.8711	0.0152262	0.990737
AQP1	0.188834	0.155305	-0.282018	1
CYHR1	67.2192	58.1387	-0.209374	0.699003
TMEM106C	95.0361	89.4333	-0.0876638	0.908098
GLIS2	11.9352	9.45734	-0.335715	0.39733
ZMYM6NB	32.9452	18.8413	-0.806174	0.00274688
ADIPOR1	49.3859	50.472	0.0313851	0.975454
RPRD1A	9.90679	11.5919	0.22663	0.619985
MRPL37	177.197	167.498	-0.0812134	0.917701
EFCAB14	6.30538	7.62113	0.273422	0.496751
CBX5	4.07404	4.14928	0.0263991	0.98206
GSPT2	4.39176	4.79633	0.127131	0.876059
CAPN5	4.98764	4.02647	-0.308841	0.49848
HDAC2	6.27062	9.90807	0.659997	0.0111246
LMBRD1	7.97835	3.77783	-1.07853	0.00153868
BCLAF1	10.1903	14.5381	0.512645	0.0564873
AP2A2	13.1793	14.2697	0.114685	0.867824
THRAP3	24.9054	24.0063	-0.0530408	0.953159
MARCH7	12.5113	9.93339	-0.33287	0.347606
ZNF224	0.0286181	0.0595636	1.0575	1
ZNF200	3.09284	3.76601	0.284108	0.578405
ACSS2	6.34134	4.40557	-0.525459	0.117359
ING1	5.78831	6.66792	0.204096	0.752718
CGB5	0.390869	0.292287	-0.4193	0.879418
CHML	1.59339	1.91485	0.265135	0.606595
C8orf33	37.8274	61.5538	0.702416	0.00739414
AGPAT1	31.9307	31.7512	-0.00813227	0.995546
FAM98C	44.5694	28.5833	-0.640881	0.0243026
RAB24	25.5955	31.7453	0.310649	0.421412
NUTF2	251.724	301.48	0.260224	0.646322
HERC2P3	0.467243	0.667288	0.514137	0.42868
TPM1	46.2733	56.2061	0.280547	0.473572
MTA3	12.5012	8.24542	-0.600401	0.0475987
CCDC130	19.1598	18.798	-0.0275005	0.97919
TMC6	30.3113	21.9426	-0.46612	0.128985
THEM6	70.68	95.1826	0.429395	0.161367
SLC48A1	8.347	7.17543	-0.218194	0.883439
GIT1	35.6391	37.6006	0.0772943	0.921553
CWC22	4.01701	4.52518	0.171852	0.786222
SLC13A3,TP53RK	6.53901	10.9874	0.748702	0.00478151
CDK5RAP2	4.49943	3.41557	-0.397614	0.263932
LINC00674	2.50131	2.06336	-0.277687	0.525936
EGFR	1.02415	0.443429	-1.20766	0.00153868

AIMP1	19.6513	15.406	-0.351132	0.322788
ZSCAN18	0.055667	0.0272153	-1.03241	1
USP33	6.39205	4.45463	-0.520975	0.0821701
NOTCH2	4.08803	4.29827	0.0723485	0.933523
STAT3	8.56726	10.3328	0.270322	0.503126
GNL3L	3.62218	5.35788	0.564806	0.0338188
GFM2	11.2657	10.5819	-0.0903392	0.97664
CYB5D2	15.1844	8.22023	-0.885342	0.00478151
NFKBIZ,NXPE3	17.9406	15.0207	-0.256278	0.590233
WDR24	6.71627	7.4702	0.153488	0.838244
ZNF775	8.33555	7.0358	-0.244564	0.723759
SNRNP35	11.143	14.0874	0.338264	0.489185
EIF4A3	74.078	132.484	0.838705	0.00153868
SBK1	3.79203	5.11106	0.430653	0.264399
HINT1	690.871	798.783	0.209387	0.658043
NUDT4	16.4291	20.3336	0.307609	0.410682
CDC26	56.4795	78.3959	0.473051	0.105057
HDLBP	30.5101	28.2865	-0.109174	0.930385
HOXA-AS3	0.0279881	0.0293998	0.0709907	1
BRI3	329.291	180.199	-0.869777	0.00380811
GLMN	5.05273	7.60008	0.588953	0.247848
CENPT	17.5636	23.0811	0.394119	0.824783
HIPK2	1.68819	2.06747	0.29239	0.491486
PUM1	7.96118	8.16817	0.0370319	0.971663
SETD9	3.33412	2.91779	-0.19243	0.921254
IFRD1	16.4637	9.78804	-0.750193	0.00153868
DNASE1	0.5136	0.626293	0.286193	0.978649
GPC4	5.60295	4.40782	-0.34612	0.383267
ERBB3	4.15958	4.41164	0.0848756	0.959525
CXorf38	2.34867	2.1384	-0.135316	0.875961
FKBPL	5.21139	9.9191	0.92854	0.00659556
MAGED1	21.4879	18.7817	-0.194193	0.70639
STK38L	2.7998	2.73223	-0.0352443	0.97515
ELF4	7.71282	6.70367	-0.202308	0.702001
RPUSD2	17.512	25.4441	0.538989	0.0712966
ZSCAN21	1.39224	1.27743	-0.124159	0.977897
VCP	59.1229	96.718	0.710068	0.00478151
FKBP4	66.5777	115.379	0.793267	0.00153868
NEK9	5.86832	4.63654	-0.3399	0.357833
TMED3	105.061	138.69	0.400636	0.206179
CES3	5.83441	3.86909	-0.592591	0.0792007
ACTR5	5.17678	8.08878	0.643866	0.0351856
TAX1BP1	15.0263	11.318	-0.408867	0.185432
TRIM37	4.19242	5.48762	0.388397	0.289501
C6orf203	14.6682	13.5834	-0.110848	0.89301
PPP1R18	54.1936	51.0212	-0.0870246	0.906934
TMEM63B	10.4945	9.8629	-0.0895553	0.913903
LAMTOR3	5.0471	4.50769	-0.163066	0.788779
COL11A2	0.281565	0.337984	0.263483	1

ZNF488	0.219522	0.338573	0.625102	1
EXOC5	3.06742	3.81012	0.31281	0.52085
GLRX	627.015	291.992	-1.10257	0.00153868
DNAH10	0.0801144	0.0924103	0.205993	1
RPS10P7	1.8948	0.800487	-1.2431	0.109206
GDE1	22.4409	22.798	0.0227806	0.981441
MAPK1IP1L	10.1669	10.2079	0.00580519	0.995202
SUMO2	288.859	296.802	0.0391325	0.967343
GOLGA7	34.1438	30.8551	-0.146111	0.808953
KIDINS220	2.17502	1.90792	-0.189028	0.759419
PIK3R2	26.8103	36.5029	0.445223	0.132824
DHFR1L1	0.923541	0.470395	-0.973304	0.0981523
TATDN1	59.8182	39.9978	-0.580665	0.212084
CTSB	45.6257	42.0532	-0.11763	0.86224
PPP2CB	37.6248	53.8005	0.515937	0.0691625
PRKAG1	45.0224	29.1051	-0.629373	0.0192959
SNHG12	30.171	56.0961	0.894738	0.318863
CCP110	1.73189	2.33781	0.432806	0.248223
BMP2K	2.16798	3.31028	0.610604	0.104553
KIAA0947	2.86734	3.71854	0.375021	0.29533
C5orf51	4.41547	3.75838	-0.232457	0.64286
WDSUB1	5.41584	4.1163	-0.395839	0.378455
FLJ38576	0.0644566	0.120626	0.904144	1
GPR153	5.20006	6.19252	0.251999	0.6565
NFKB2	41.2312	33.2926	-0.308532	0.403093
GORASP2	33.2696	41.3341	0.313129	0.378361
ABCC1	10.4773	10.5463	0.00947611	0.994068
SNX4	4.81354	5.98888	0.315189	0.474408
WDR85	34.4819	53.0143	0.620542	0.0198871
PPIL2	7.64948	8.92929	0.223184	0.745079
NAIF1	3.35719	2.36524	-0.505268	0.239276
NR113	1.37112	2.8126	1.03656	0.656556
SIRT5	4.64098	2.63012	-0.819298	0.0181648
TOP2B	13.2608	10.9341	-0.278325	0.466307
TMBIM4	30.2768	21.2367	-0.511655	0.0824065
HIPK1	2.32806	2.86878	0.301306	0.489185
AGAP4	0.810422	1.22706	0.598461	0.307226
BIN3	16.1305	18.8107	0.221763	0.910997
EIF3K	290.789	320.213	0.13906	0.817355
TXNDC17	32.3101	40.5998	0.329485	0.506333
NTN4	0.431698	0.140541	-1.61903	0.0150346
PHF2	4.20111	4.07948	-0.042386	0.969826
CD33	0.0757701	0	#NAME?	1
WDR44	1.42764	1.21423	-0.233586	0.749756
VILL	0.353517	0.243425	-0.538302	1
BIN1	32.9142	22.4152	-0.554232	0.0519269
RASA3	16.8122	12.9114	-0.380862	0.260223
RNF115	7.1194	5.72229	-0.315163	0.531391
ATXN1L	2.01944	2.26808	0.167516	0.799656

OTUB1	62.4703	88.8131	0.507603	0.068345
LEMD3	3.14811	3.37316	0.099618	0.907121
ZNF618	2.10429	2.03044	-0.0515362	0.963259
CTNNB1	55.2555	57.0668	0.0465325	0.96074
CDR2	7.61963	11.3902	0.580003	0.0471668
CHURC1,CHURC	23.7084	17.0023	-0.479667	0.493653
ZC3H14	9.15034	10.2917	0.169582	0.764456
SEPT7P2	1.45235	1.81339	0.320306	0.654938
FBXO11	8.42624	6.71908	-0.326625	0.647073
SNUPN	17.6467	17.3469	-0.0247155	0.981441
CEP19	0.576274	0.826518	0.520292	0.485845
TBCC	17.837	19.5203	0.130101	0.859815
IER5	21.2334	22.7706	0.100836	0.898718
NAGLU	19.2511	12.1604	-0.662754	0.020985
TERF2IP	24.3992	20.2106	-0.271721	0.499226
ULK3	24.7251	28.1191	0.185578	0.727874
SELT	26.526	43.0652	0.699118	0.00820276
RALA	13.0731	15.1836	0.21591	0.647696
FAM120A	43.0799	43.9436	0.0286367	0.978818
ARMCX5,ARMCX	3.00533	2.07365	-0.535351	0.187632
ADAM9	13.2272	9.13099	-0.534667	0.0592362
CDC42EP2	21.3778	40.5566	0.923826	0.00153868
GABARAPL2	101.102	87.5816	-0.207111	0.662604
LRBA	4.09632	2.07892	-0.978493	0.00153868
C1orf63	10.4073	13.446	0.369571	0.398588
ORC2	3.18856	3.7179	0.221583	0.70878
PCYOX1L	5.40549	3.37114	-0.681189	0.0519269
UTS2	4.72884	3.66241	-0.368695	0.655592
DOK1	19.801	26.0839	0.397587	0.870788
NDUFAF7	7.64594	7.109	-0.105047	0.897786
PLBD1	15.2454	12.3987	-0.298183	0.469274
TRAM1	41.252	41.4482	0.00684592	0.994734
LRRC37A4P	1.11585	0.963576	-0.211672	0.762973
LEPREL2	18.4441	23.9298	0.37565	0.274988
PTRHD1	51.233	63.4665	0.308923	0.85459
APLP1	14.7467	14.0341	-0.0714582	0.937886
PAQR7	16.5296	16.4535	-0.00665811	0.994734
COPS8	31.0786	35.6275	0.197066	0.689833
MDH2	333.83	343.466	0.0410573	0.967343
GNB2L1	3313.34	2904.75	-0.189868	0.744765
ABR	18.6299	24.5103	0.395771	0.234147
HSD17B6	0.563691	0.555984	-0.0198617	0.994204
MAGIX	1.07298	0.880984	-0.28444	0.836427
C12orf29	4.38022	5.66869	0.372013	0.439733
C8orf59	150.342	139.542	-0.107549	0.880754
PARP14	2.83214	2.39865	-0.239667	0.628907
DNAL4	11.5845	4.78802	-1.27469	0.00153868
PITX2	8.18807	14.2196	0.79629	0.00380811
RAB7L1	8.43687	9.49879	0.171035	0.774294

SNX12	15.7993	17.1966	0.122258	0.861253
CMC1	46.4924	43.2967	-0.102736	0.898731
ARNT2	1.82117	1.44154	-0.337258	0.502085
AKAP2,PALM2,Pf	6.18309	5.57019	-0.150602	0.80614
CCNB2	42.4856	32.8677	-0.370301	0.28349
LYSMD4	2.84622	2.53183	-0.168868	0.845809
WASH2P	8.63441	6.26055	-0.463808	0.263172
RB1	5.05718	3.47602	-0.540898	0.0824065
CTBP1-AS1	3.42003	3.49356	0.0306902	0.980228
ENKD1	2.07506	2.15029	0.0513762	0.977972
ATP11B	3.7691	2.46407	-0.613179	0.024868
LOC441461	2.06533	0.547515	-1.9154	0.0420136
LIPT2	1.26347	0.723581	-0.804161	0.451947
FAM188A	11.0678	10.1355	-0.126947	0.85718
CCDC78	4.15849	2.25211	-0.884782	0.525673
SS18	13.8062	14.9918	0.118858	0.860434
PIK3CB	2.57728	3.19441	0.309703	0.491486
EPN1	90.6068	95.014	0.0685212	0.93571
VDR	1.44999	1.32252	-0.132747	0.897332
RPP25L	84.5157	48.9327	-0.788419	0.00153868
ZSCAN32	4.90216	6.47672	0.401844	0.281393
LOC100286793	0.651632	0.545978	-0.255214	0.879418
EFHA1	12.8368	12.3633	-0.0542179	0.954981
RNASEH2A	58.4322	50.7825	-0.202433	0.698593
C17orf59	13.6208	12.848	-0.0842668	0.93285
HNRNPA1L2	9.05464	8.28854	-0.127539	0.859143
CAD	13.1931	15.7716	0.257544	0.533195
ATG4D	19.0119	22.3267	0.231874	0.864177
SHARPIN	87.098	71.9268	-0.27611	0.485845
PDE12	9.13185	13.7898	0.594625	0.0338188
CCR10	24.3562	16.6007	-0.553047	0.17963
PIGB	3.1696	2.2364	-0.503121	0.654938
LOC644656	1.70668	1.9269	0.175089	0.902666
FOXP1	8.48816	7.02892	-0.272149	0.506642
ANKS6	9.16297	10.2119	0.156368	0.783706
TMEM238	21.8035	22.9114	0.0715054	0.967343
ATN1	37.5039	33.3643	-0.168737	0.750823
MND1	32.5799	20.794	-0.647815	0.0243026
CDH12	0.0419104	0.026077	-0.684528	1
MGC27345	1.91034	3.34439	0.807916	0.00153868
RNF149	16.9621	13.9624	-0.280766	0.489185
RAD54L	7.64641	9.5835	0.325771	0.818403
CEBPZ	7.96537	11.0326	0.469957	0.308679
HSD17B4	11.2652	9.76577	-0.206065	0.687681
SRCRB4D	0.746841	0.861226	0.205591	0.947351
POGLUT1	3.22621	4.06639	0.333909	0.442926
LARP7	8.2461	8.83679	0.0998119	0.910997
KLHL23,PHOSPH	6.31163	8.30289	0.3956	0.37549
LOC115110	0.914941	0.274775	-1.73543	0.0143403

PAQR8	1.85814	0.973136	-0.933143	0.00739414
ARNTL	3.68983	2.70561	-0.4476	0.285745
KIAA1609	5.64109	3.11825	-0.855236	0.00153868
INPP5E	21.8091	18.9047	-0.206187	0.681478
NUDCD1	20.782	24.964	0.264519	0.51146
RNF40	15.4469	20.6837	0.421178	0.306773
P2RY1	0.0780817	0.165717	1.08567	1
MPHOSPH6	21.1459	29.9334	0.501377	0.100178
NXT2	1.93655	1.99461	0.0426134	0.975484
ZSCAN20	0.357827	0.365225	0.0295199	1
B4GALT2	43.1976	52.5501	0.282743	0.474234
SSX2IP	3.10776	3.26924	0.073079	0.935829
GSKIP	5.03567	6.02064	0.257733	0.642802
UVSSA	1.17438	0.496435	-1.24222	0.00659556
MRM1	9.09788	8.38897	-0.117037	0.89785
BSCL2,HNRNPUL	28.5063	26.0499	-0.130004	0.8909
NME1,NME1-NME	1779.2	2097.92	0.237736	0.624571
SCRN1	0.0193561	0.0334009	0.787098	1
GALK1	49.5581	41.879	-0.242894	0.612746
YWHAZ	235.4	271.176	0.20412	0.696867
OPLAH	43.1087	54.1237	0.328282	0.367775
NF2	7.60217	11.7414	0.62712	0.0243026
PTK7	27.599	23.1647	-0.252691	0.552979
SP8	0.320496	0.378664	0.240611	0.880357
CHERP	19.7527	25.5267	0.369956	0.308679
CLINT1	8.37149	12.141	0.536336	0.0617671
ZNF45	1.82924	2.07835	0.184193	0.801516
KNSTRN	21.3331	29.5701	0.471042	0.120157
YWHAE	365.256	410.81	0.169563	0.767689
DEXI	30.0318	44.063	0.553078	0.064033
ANKMY1	1.48754	0.786821	-0.918825	0.070901
CSNK1D	41.137	44.5136	0.113812	0.867427
STIP1	135.971	289.507	1.0903	0.00153868
INVS	4.68644	3.20936	-0.546208	0.0916618
POU2F1	0.874904	0.618721	-0.499835	0.179887
HIP1	3.68153	3.58148	-0.0397489	0.96875
SLC39A8	10.0185	8.78831	-0.189009	0.731399
PRPF6	30.8564	31.7182	0.0397398	0.967329
PAXIP1	5.24815	6.38658	0.283233	0.530096
KIF18B	8.84456	11.1165	0.329839	0.390338
VSIG10	3.77118	2.77912	-0.440389	0.222759
TSPAN15	5.54349	4.74036	-0.225798	0.760301
ARHGEF11	2.82192	2.83735	0.0078632	0.994734
MARVELD1	16.0826	18.5202	0.203596	0.688983
C9orf129	2.02309	2.74591	0.440723	0.904905
RBMX2	19.0826	17.7045	-0.108142	0.881526
DYNC2H1	1.02901	0.502166	-1.03503	0.00153868
LOC100508120	0.496689	0.20811	-1.255	0.161211
ZFP90	3.13146	2.03688	-0.620474	0.0451232

BEX5	11.5537	7.1016	-0.702138	0.0568637
WDYHV1	12.1476	7.90498	-0.619841	0.064033
CBY1	31.1756	33.6227	0.10902	0.880754
SNAP47	17.7581	19.8041	0.157325	0.891105
ATP6V1E1	52.7313	53.552	0.022279	0.981543
REEP3	3.55692	3.3137	-0.102184	0.899621
ADAM1A	0.5872	0.720591	0.295329	0.756508
CCDC85B	279.737	288.311	0.0435549	0.963969
LRP8	2.57532	5.23651	1.02385	0.0429833
AAED1	28.4739	28.4499	-0.00121776	0.999234
NKRF	4.81859	5.23807	0.120424	0.874128
SUPT5H	33.0712	31.2079	-0.0836626	0.91609
SUMF2	69.3037	42.7863	-0.695785	0.0270318
COPB2	22.7048	23.8824	0.0729509	0.931567
DNAJC8	84.0844	101.81	0.275963	0.486217
ARL6IP6	4.81621	2.82949	-0.767358	0.0220668
RPL23AP53	1.64088	2.12216	0.371063	0.413223
STXBP4	0.245184	0.446652	0.865288	0.0878381
FAM78B	3.27037	4.69907	0.522922	0.317407
PLIN3	69.7125	64.5129	-0.11183	0.870063
PRR12	4.96872	5.96873	0.264549	0.579868
NUP214	7.74968	7.4799	-0.0511179	0.955413
RNF7	53.7721	48.1989	-0.157859	0.783706
SPEN	3.07898	4.19184	0.445129	0.167611
METTL21A	8.34092	10.4149	0.320375	0.400559
HMGNI	206.947	244.999	0.24352	0.581794
LOC100130776	69.04	60.8969	-0.181064	0.737085
MRPL33	119.02	152.825	0.360681	0.302656
LRRC14	9.38625	14.17	0.594215	0.302537
ATL2	11.0134	12.2284	0.150983	0.8041
PDHB	28.4159	26.2825	-0.112595	0.874294
ZNF800	2.84308	3.0653	0.108573	0.902834
LOC646214	0.211361	0.204909	-0.0447313	1
SGSM3	15.4087	14.0924	-0.128836	0.887337
IQCB1	13.6312	10.4733	-0.380196	0.283886
EID1	25.2858	30.5773	0.274132	0.483429
MGMT	76.1762	67.5958	-0.172408	0.74647
COA1	46.9975	50.736	0.110427	0.884758
HSPA8	656.586	1266.45	0.947731	0.00153868
FCHSD1	11.4295	8.48943	-0.429022	0.272576
DYRK1A	4.86287	4.00962	-0.278342	0.518305
FHL3	37.3529	31.7758	-0.233291	0.623292
UBA52	392.044	394.082	0.007481	0.994593
PRR13	87.6305	103.018	0.233395	0.592657
DHX8	6.26021	6.4296	0.038518	0.970994
KDEL1	276.364	246.332	-0.165968	0.766871
THYN1	55.3739	39.7626	-0.477793	0.115142
TMEM80	12.4967	13.704	0.133058	0.956177
TK1	93.9043	97.2944	0.051166	0.956908

FAM60A	31.3647	32.7946	0.0643139	0.939583
SMARCA4	34.0895	38.6246	0.180195	0.727043
FLOT2	36.9566	27.2486	-0.439649	0.154363
ZSCAN2	5.7092	4.52352	-0.335842	0.703707
CHMP3,RNF103,F	22.6009	19.7166	-0.196969	0.782703
EIF5	22.5852	33.9001	0.585909	0.0204286
ZNF595,ZNF718	0.455624	0.467967	0.0385627	0.983243
VPS28	332.599	289.49	-0.20027	0.689784
RNF139	17.7407	13.0434	-0.443744	0.397131
THAP11	23.7409	41.8024	0.816215	0.385955
COX10	8.06442	7.6414	-0.0777342	0.935829
SYNC	26.183	23.3954	-0.162405	0.852271
WRB	17.8717	17.501	-0.0302428	0.977857
QTRT1	51.9095	60.7389	0.226622	0.633194
KIAA1984-AS1	0.706899	0.548524	-0.36595	0.969482
KCNS1	0.00999371	0.00546504	-0.870788	1
GLTSCR1	2.23358	2.74684	0.298413	0.633646
CFLAR	3.78393	3.21274	-0.236081	0.875956
PTPN2	19.3362	18.9545	-0.0287645	0.978818
RNF26	22.2624	22.6885	0.0273468	0.978818
ICA1	3.50035	1.37084	-1.35244	0.00153868
PPWD1	9.17721	9.53413	0.0550462	0.955509
AMY2B,RNPC3	3.24387	1.77527	-0.86968	0.0238313
ZBTB45	12.3397	14.4419	0.226947	0.700086
ITPR1PL2	4.31659	5.75507	0.414941	0.202725
CEP85	5.12971	6.42908	0.325734	0.42256
CCDC47	20.4793	24.5234	0.259993	0.521457
TEAD3	11.3635	15.1087	0.41097	0.222632
TRMT2A	15.4647	24.0669	0.638076	0.157202
EXOC2	3.52567	3.30065	-0.0951478	0.913444
SEPN1	72.0166	57.4691	-0.325542	0.36961
TBC1D2B	3.25633	4.56636	0.4878	0.131988
PARP8	2.29535	1.78287	-0.364515	0.347688
TATDN3	4.75779	2.39777	-0.988596	0.00153868
DDX58	0.505069	0.412965	-0.290463	0.733653
C5orf45	45.6389	29.5218	-0.628481	0.872122
SNX7	11.1609	9.68278	-0.204963	0.71903
ICA1L	0.404765	0.369751	-0.130534	0.92298
B3GALNT1	6.06096	8.82782	0.54251	0.0605998
EHMT1	10.832	13.7369	0.342755	0.324863
ZNF721	3.72932	4.03755	0.114568	0.945887
CSRNP1	8.34346	11.4622	0.458161	0.165129
MTX1	46.9821	49.2638	0.0684185	0.94188
TRIM33	2.8126	2.64315	-0.0896435	0.913887
RBAK,RBAK-LOC	32.4156	26.9615	-0.265788	0.872122
NOV	4.09457	2.35136	-0.800217	0.020985
POLR2D	12.019	14.9534	0.315157	0.424975
CHTOP	57.3232	61.5963	0.103724	0.952184
ZC3H13	0.979608	1.28256	0.388754	0.396999

ZEB1	3.96599	4.08865	0.0439406	0.965252
HPCAL1	47.6364	67.7332	0.5078	0.0712966
NUP153	6.11254	7.79199	0.350221	0.318772
RNF170	5.42111	3.32495	-0.705257	0.0388971
CXCL16	42.4749	47.3809	0.157694	0.825017
LRCH1	2.579	3.07645	0.254454	0.633194
YBEY	20.6992	13.932	-0.571175	0.094542
ROM1	2.18354	1.58955	-0.458053	0.879418
UBE2W	4.72408	4.38086	-0.108821	0.892475
PPP1R26	16.5155	20.644	0.321904	0.363127
DRAP1	466.702	642.438	0.461056	0.130345
ZNF71	4.30133	5.8489	0.443384	0.253087
GSTT2	1.00678	2.10325	1.06288	0.0805827
PVRL2	41.1299	39.017	-0.0760836	0.927113
PRDX6	285.974	298.526	0.061968	0.945399
WDR48	5.46715	4.78835	-0.191259	0.736579
DCAF7	27.5115	19.467	-0.499001	0.28665
PPP2R5E	4.17696	4.17374	-0.00111301	0.999234
ILF3-AS1	5.87381	6.14489	0.0650902	0.953159
TTK	5.0762	3.51787	-0.529045	0.106507
ZNFX1	2.3747	4.20848	0.825559	0.739148
PCDHB16	1.00785	0.683636	-0.559975	0.27006
SBNO1	3.25146	4.16666	0.357802	0.284028
MCMDC2	0.195406	0.237951	0.284192	1
TRNAU1AP	13.4757	11.0105	-0.291487	0.765218
APEH	98.6999	88.0437	-0.16483	0.765218
SLC25A17	12.5661	14.7664	0.232777	0.6214
HDHD3	29.3643	29.7227	0.017501	0.986782
STAT1	6.48038	10.6033	0.710361	0.00659556
LTBR	37.0768	75.2077	1.02036	0.00153868
ACTR3	39.7075	48.661	0.293356	0.442187
COBL	3.97984	3.24629	-0.293919	0.525673
FLJ44313	0.526946	0.359844	-0.550281	0.581347
C19orf21	0.390347	0.173335	-1.17119	0.171388
ACAA1	36.8422	35.8328	-0.0400807	0.967343
TRMT1L	3.47279	2.6691	-0.37974	0.406256
NRTN	8.90397	10.7378	0.270171	0.764196
ANKRD18DP	0.12643	0.063504	-0.993415	1
RPP25	61.1796	104.48	0.772106	0.00274688
RAD51D,RFFL	12.7171	10.2205	-0.315307	0.483022
RIN3	10.8611	13.2322	0.284889	0.503126
DDX24	35.8516	45.0665	0.330017	0.344831
NKIRAS1	4.24124	6.90483	0.703121	0.931457
IQCG	10.4125	17.1209	0.71745	0.917228
VRK2	3.07207	1.87133	-0.715145	0.468275
ABT1	24.0393	34.3099	0.51323	0.0685533
RWDD4	9.66533	12.1685	0.332256	0.385184
COX4I1	604.557	623.356	0.0441788	0.962969
FASTKD3	9.39139	13.9241	0.568171	0.15255

NFIA	1.21152	1.28559	0.0856117	0.933651
GYG1	33.1342	27.9026	-0.247921	0.569219
ZSWIM4	5.97074	3.03497	-0.976228	0.00153868
INPP1	10.4638	10.6508	0.0255635	0.981441
RPF2	50.2798	54.389	0.113337	0.868932
LRRC34	1.68818	0.715449	-1.23855	0.00478151
HOXA10,HOXA9	29.2126	41.8424	0.518377	0.073625
RRNAD1	14.4623	6.42384	-1.17079	0.00153868
DDB1	65.1531	67.2522	0.0457464	0.968712
PTTG1IP	80.907	77.2177	-0.0673317	0.936029
DHX29	3.47853	4.8386	0.476111	0.138886
TIMM9	44.1288	27.9897	-0.656826	0.0220668
API5	25.9889	35.7261	0.459079	0.113276
UBAC1	38.7454	48.9805	0.338182	0.346208
PTDSS2	48.1186	55.6014	0.208525	0.668626
CMAS	17.7497	16.4659	-0.108307	0.883857
TPCN1	5.43453	7.19112	0.404062	0.239661
CRTC3	6.06905	5.56356	-0.125462	0.86364
PROCR	165.746	171.24	0.0470454	0.960032
MED1	4.67456	5.21893	0.158925	0.784296
DCTD	63.0394	62.4203	-0.014237	0.990623
TCF12	8.13601	5.80352	-0.487395	0.110538
SPTAN1	32.1564	21.8791	-0.555556	0.203128
SVIL	1.49028	1.70723	0.196077	0.774237
HDAC5	15.1406	7.03286	-1.10624	0.00153868
CCDC114	0.0673838	0.0236954	-1.5078	1
RANBP10	5.08939	3.77401	-0.431395	0.221797
GDPD5	7.72765	8.0098	0.0517374	0.961459
ARL14EP	5.63021	6.00483	0.0929352	0.922274
PPP3CA	2.09303	2.48848	0.249671	0.675661
TCF25	94.4421	83.197	-0.182898	0.732319
GTF3C2	11.6494	15.4629	0.408549	0.203984
ARF6	19.1222	20.7171	0.115574	0.862143
CDC42	77.4477	88.5139	0.192682	0.698259
SPSB2	9.10144	10.7794	0.244116	0.975492
MRPL48	23.0905	25.7493	0.15723	0.800413
PAIP2	47.8907	37.4076	-0.356413	0.283419
EXTL1	0.0381479	0.0662117	0.795483	1
AKT1	67.4093	80.0445	0.247856	0.567291
FNDC3B	1.69826	1.72954	0.0263301	0.981441
NEO1	5.59893	3.45594	-0.696073	0.00897284
RBM22	21.3908	21.0193	-0.0252762	0.980228
USP5	30.4436	37.3988	0.296852	0.432815
MIR4792	0	425.882 inf		0.284182
SNORD50A	0	373.653 inf		0.33087
SNORA15	0	4.29014 inf		0.468024
SNORD9	0	21.4904 inf		0.499306
HNRNPC	153.16	159.326	0.0569447	0.952184
OR4F5	0	0	0	1

OR4F3	0	0	0	1
LOC254099	0	0	0	1
MIR200B	0	0	0	1
MIR200A	0	0	0	1
MIR429	0	0	0	1
TTL10	0	0	0	1
TMEM88B	0	0	0	1
MMP23A	0	0	0	1
GABRD	0	0	0	1
ACTRT2	0	0	0	1
MIR4251	0	0	0	1
CCDC27	0	0	0	1
LOC728716	0	0	0	1
LOC284661	0	0	0	1
AJAP1	0	0	0	1
MIR4417	0	0	0	1
HES3	0	0	0	1
RBP7	0	0.0364937	inf	1
MTOR-AS1	0	0.0350204	inf	1
ANGPTL7	0	0	0	1
PTCHD2	0	0	0	1
DRAXIN	0	0	0	1
SNORA59A	0	0	0	1
AADA4L4	0	0	0	1
AADA4L3	0	0	0	1
C1orf158	0	0	0	1
PRAMEF12	0	0	0	1
PRAMEF1	0	0	0	1
PRAMEF2	0	0	0	1
PRAMEF7,PRAMI	0	0	0	1
PRAMEF22	0	0	0	1
PRAMEF5	0	0	0	1
PRAMEF9	0	0	0	1
PRAMEF16	0	0	0	1
PRAMEF20,PRAM	0	0	0	1
PRAMEF9	0	0	0	1
PRAMEF17	0	0	0	1
PRAMEF20,PRAM	0	0	0	1
PDPN	0	0	0	1
CELA2A	0	0	0	1
CELA2B	0	0	0	1
TMEM82	0	0	0	1
CLCNKB	0	0	0	1
MIR3675	0	0	0	1
MIR3675	0	0	0	1
PADI4	0	0	0	1
PADI6	0	0	0	1
IGSF21	0	0	0	1
KLHDC7A	0	0.00834716	inf	1

PAX7	0	0	0	1
HTR6	0	0.0156181	inf	1
PLA2G5	0	0	0	1
PLA2G2F	0	0	0	1
UBXN10	0	0	0	1
VWA5B1	0	0	0	1
FAM43B	0	0	0	1
CELA3B	0	0	0	1
CELA3A	0	0	0	1
EPHA8	0	0.00384827	inf	1
C1QA	0	0	0	1
C1QC	0	0	0	1
C1QB	0	0	0	1
MIR4684	0	0	0	1
MIR3115	0	0	0	1
MIR378F	0	0	0	1
LOC284632	0	0	0	1
NCMAP	0	0.00282094	inf	1
CATSPER4	0	0	0	1
CD52	0	0.0353109	inf	1
MIR1976	0	0	0	1
OPRD1	0	0.0343948	inf	1
LOC149086	0	0	0	1
LOC284551	0	0	0	1
HMGB4	0	0	0	1
LOC402779	0	0	0	1
C1orf94	0	0	0	1
GJB5	0	0.00933718	inf	1
GJB4	0	0	0	1
GJA4	0	0	0	1
TEKT2	0	0	0	1
MIR4255	0	0	0	1
MIR3659	0	0	0	1
MIR30E	0	0	0	1
MIR30C1	0	0	0	1
GUCA2B	0	0	0	1
TMEM125	0	0	0	1
KLF17	0	0.00577813	inf	1
MIR5584	0	0	0	1
SNORD38A	0	0	0	1
SNORD38B	0	0	0	1
EFCAB14-AS1	0	0	0	1
CYP4B1	0	0	0	1
CYP4X1	0	0	0	1
CYP4Z1	0	0	0	1
CYP4A22	0	0	0	1
SLC5A9	0	0	0	1
ELAVL4	0	0	0	1
C1orf185	0	0	0	1

PODN	0	0	0	1
DMRTB1	0	0	0	1
MIR4781	0	0	0	1
C1orf177	0	0	0	1
BSND	0	0	0	1
PCSK9	0	0	0	1
MIR4422	0	0	0	1
C8A	0	0	0	1
UBE2U	0	0	0	1
MIR4794	0	0	0	1
MIR3117	0	0	0	1
TCTEX1D1	0	0.00379884	inf	1
PIN1P1	0	0	0	1
LHX8	0	0	0	1
SNORD45C	0	0	0	1
SNORD45B	0	0	0	1
ST6GALNAC5	0	0	0	1
AK5	0	0.00298046	inf	1
GIPC2	0	0.00616717	inf	1
MGC27382	0	0	0	1
PTGFR	0	0	0	1
LPHN2	0	0	0	1
MIR4423	0	0	0	1
CLCA1	0	0	0	1
CLCA4	0	0	0	1
GBP1P1	0	0	0	1
C1orf146	0	0	0	1
SNORA66	0	0	0	1
MIR760	0	0	0	1
DPYD-AS1	0	0	0	1
LOC729987	0	0	0	1
LOC100129620	0	0	0	1
LPPR4	0	0	0	1
PALMD	0	0	0	1
MIR553	0	0	0	1
GPR88	0	0	0	1
VCAM1	0	0	0	1
S1PR1	0	0.00437984	inf	1
DNAJA1P5	0	0	0	1
AMY2A	0	0	0	1
AMY1A	0	0	0	1
AMY1A	0	0	0	1
NTNG1	0	0	0	1
VAV3-AS1	0	0	0	1
NBPF6	0	0	0	1
SRG7	0	0	0	1
MIR197	0	0	0	1
SLC6A17	0	0	0	1
CYMP	0	0	0	1

CD53	0	0	0	1
CHI3L2	0	0	0	1
CHIA	0	0	0	1
PIFO	0	0	0	1
SYCP1	0	0	0	1
TSHB	0	0	0	1
MIR320B1	0	0	0	1
CD2	0	0	0	1
MIR942	0	0	0	1
HSD3B2	0	0	0	1
HSD3B1	0	0	0	1
HIST2H2BA	0	0	0	1
EMBP1	0	0	0	1
GPR89C	0	0	0	1
GJA8	0	0	0	1
PPIAL4E	0	0	0	1
PPIAL4D	0	0	0	1
FCGR1C	0	0	0	1
PPIAL4B	0	0	0	1
FCGR1A	0	0	0	1
HIST2H4B	0	0	0	1
HIST2H2AA3	0	0.11208 inf		1
HIST2H3C	0	0	0	1
MIR4257	0	0	0	1
MIR554	0	0	0	1
RIAD1	0	0	0	1
LOC100132111	0	0	0	1
LCE5A	0	0.0401621 inf		1
CRCT1	0	0	0	1
LCE3C	0	0	0	1
LCE3B	0	0	0	1
LCE2D	0	0	0	1
LCE2C	0	0	0	1
LCE2B	0	0	0	1
LCE2A	0	0	0	1
LCE4A	0	0	0	1
C1orf68	0	0	0	1
KPRP	0	0	0	1
LCE1D	0	0	0	1
LCE1A	0	0	0	1
LCE6A	0	0	0	1
SMCP	0	0	0	1
IVL	0	0	0	1
SPRR4	0	0	0	1
SPRR1A	0	0	0	1
SPRR3	0	0	0	1
SPRR1B	0	0	0	1
LELP1	0	0	0	1
PRR9	0	0	0	1

LOR	0	0	0	1
S100A9	0	0.021699 inf		1
S100A7A	0	0	0	1
NPR1	0	0	0	1
AQP10	0	0	0	1
MIR4258	0	0	0	1
LENEP	0	0	0	1
DCST1	0	0	0	1
MIR92B	0	0	0	1
TTC24	0	0	0	1
CYCSP52	0	0	0	1
CD1A	0	0	0	1
CD1C	0	0	0	1
CD1E	0	0	0	1
OR10K1	0	0	0	1
OR10R2	0	0	0	1
OR10Z1	0	0	0	1
OR6K6	0	0	0	1
MNDA	0	0	0	1
PYHIN1	0	0	0	1
CADM3	0	0	0	1
DARC	0	0	0	1
FCER1A	0	0	0	1
OR10J1	0	0	0	1
APCS	0	0	0	1
FCRL6	0	0	0	1
SLAMF8	0	0.00280526 inf		1
LOC100505633	0	0	0	1
ATP1A4	0	0	0	1
FCGR2C	0	0	0	1
FCGR2B	0	0	0	1
MIR4654	0	0	0	1
MIR556	0	0	0	1
LRRC52	0	0	0	1
LOC440700	0	0	0	1
FMO9P	0	0	0	1
DUSP27	0	0	0	1
MIR557	0	0	0	1
XCL1	0	0.00827894 inf		1
LINC00626	0	0	0	1
METTL11B	0	0	0	1
PRRX1	0	0	0	1
MROH9	0	0	0	1
FMO3	0	0	0	1
MIR1295B	0	0	0	1
FMO6P	0	0	0	1
FMO2	0	0	0	1
FMO1	0	0	0	1
MIR3120	0	0	0	1

C1orf105	0	0	0	1
FASLG	0	0	0	1
LOC730159	0	0	0	1
TNN	0	0	0	1
FAM5B	0	0	0	1
TEX35	0	0	0	1
MIR4424	0	0	0	1
FAM163A	0	0.00436175	inf	1
GM140	0	0	0	1
CACNA1E	0	0.00077528	inf	1
LINC00272	0	0	0	1
RGSL1	0	0	0	1
LOC284648	0	0	0	1
HMCN1	0	0	0	1
LOC440704	0	0	0	1
RGS18	0	0	0	1
RGS21	0	0	0	1
RGS1	0	0	0	1
RGS13	0	0	0	1
MIR1278	0	0	0	1
CFH	0	0	0	1
CFHR3	0	0	0	1
CFHR1	0	0	0	1
CFHR4	0	0	0	1
CFHR2	0	0	0	1
LHX9	0	0	0	1
PTPRC	0	0	0	1
GPR25	0	0	0	1
PKP1	0	0	0	1
MIR5191	0	0	0	1
MIR1231	0	0	0	1
GPR37L1	0	0	0	1
LOC641515	0	0.0128188	inf	1
SNORA77	0	0	0	1
LAX1	0	0	0	1
CTSE	0	0	0	1
IL19	0	0.00621201	inf	1
IL20	0	0	0	1
C4BPA	0	0	0	1
CR2	0	0	0	1
CR1L	0	0	0	1
MIR205HG	0	0	0	1
SYT14	0	0	0	1
SERTAD4	0	0	0	1
MIR3122	0	0	0	1
SNORA16B	0	1.29837	inf	1
LINC00538	0	0	0	1
KCNK2	0	0	0	1
LINC00210	0	0	0	1

RNU5F-1	0	0	0	1
MARK1	0	0	0	1
C1orf65	0	0	0	1
MIXL1	0	0	0	1
C1orf95	0	0	0	1
PRSS38	0	0	0	1
WNT3A	0	0	0	1
MIR3620	0	0	0	1
MIR4666A	0	0	0	1
CAPN9	0	0	0	1
MAP10	0	0	0	1
MIR4427	0	0	0	1
SLC35F3	0	0	0	1
MIR4671	0	0	0	1
ACTN2	0	0	0	1
LOC100130331	0	0	0	1
RPS7P5	0	0	0	1
FMN2	0	0	0	1
MIR3123	0	0	0	1
WDR64	0	0	0	1
MIR4677	0	0	0	1
LOC339529	0	0	0	1
C1orf100	0	0.0453774	inf	1
OR2W5	0	0	0	1
GCSAML	0	0	0	1
OR2G2	0	0	0	1
OR2G3	0	0	0	1
OR2W3	0	0	0	1
OR2T8	0	0	0	1
OR2L13	0	0	0	1
OR2L8	0	0	0	1
OR2AK2	0	0	0	1
OR2L1P	0	0	0	1
OR2L5	0	0	0	1
OR2L2	0	0	0	1
OR2L3	0	0	0	1
OR2M1P	0	0	0	1
OR2M5	0	0	0	1
OR2M2	0	0	0	1
OR2M3	0	0	0	1
OR2M4	0	0	0	1
OR14C36	0	0	0	1
OR2T4	0	0	0	1
OR2T6	0	0	0	1
OR2T1	0	0	0	1
OR2T2	0	0	0	1
OR2T3	0	0	0	1
OR2T5	0	0	0	1
OR2G6	0	0	0	1

MIR3124	0	0	0	1
FAM138F	0	0	0	1
OR4F3	0	0	0	1
TNFRSF18	0	0.0227477	inf	1
HES5	0	0	0	1
MIR551A	0	0	0	1
TP73-AS1	0	0	0	1
MIR4689	0	0	0	1
MIR4252	0	0	0	1
MIR34A	0	0	0	1
C1orf200	0	0	0	1
PRAMEF11	0	0	0	1
HNRNPCL1,LOC6	0	0	0	1
PRAMEF4	0	0	0	1
PRAMEF10	0	0	0	1
PRAMEF6	0	0	0	1
PRAMEF5	0	0	0	1
LOC440563	0	0	0	1
PRAMEF3	0	0	0	1
PRAMEF8	0	0	0	1
PRAMEF13,PRAM	0	0	0	1
PRAMEF18	0	0	0	1
PRAMEF7,PRAMI	0	0	0	1
PRAMEF14	0	0	0	1
PRAMEF18	0	0	0	1
LRRC38	0	0	0	1
HSPB7	0	0	0	1
ESPNP	0	0	0	1
MIR3675	0	0	0	1
PADI2	0	0	0	1
TAS1R2	0	0	0	1
MIR4695	0	0	0	1
RNF186	0	0	0	1
PLA2G2E	0	0	0	1
PLA2G2A	0	0	0	1
PLA2G2C	0	0	0	1
LOC339505	0	0	0	1
MIR4253	0	0	0	1
RUNX3	0	0	0	1
SLC30A2	0	0	0	1
TRIM63	0	0	0	1
ZNF683	0	0	0	1
C1orf172	0	0.00953244	inf	1
FCN3	0	0.0166793	inf	1
CD164L2	0	0	0	1
FGR	0	0	0	1
MIR4420	0	0	0	1
SNORD103A	0	0	0	1
SNORD103A	0	0	0	1

SNORD85	0	0	0	1
MIR4254	0	0	0	1
CSF3R	0	0	0	1
GRIK3	0	0	0	1
MIR5581	0	0	0	1
RSPO1	0	0	0	1
LOC339442	0	0	0	1
SNORA55	0	1.58496 inf		1
HEYL	0	0	0	1
NT5C1A	0	0	0	1
CLDN19	0	0.00400474 inf		1
KNCN	0	0	0	1
PDZK1IP1	0	0	0	1
TAL1	0	0	0	1
SKINTL	0	0	0	1
AGBL4	0	0	0	1
BEND5	0	0	0	1
SLC1A7	0	0	0	1
SLC25A3P1	0	0	0	1
LDLRAD1	0	0	0	1
CDCP2	0	0	0	1
TTC22	0	0	0	1
C1orf168	0	0	0	1
C8B	0	0	0	1
DAB1	0	0	0	1
MIR4711	0	0	0	1
CYP2J2	0	0	0	1
C1orf87	0	0	0	1
KANK4	0	0.0021709 inf		1
MIR3671	0	0	0	1
MIR101-1	0	0	0	1
INSL5	0	0	0	1
MIR1262	0	0	0	1
RPE65	0	0	0	1
PTGER3	0	0	0	1
MIR186	0	0	0	1
NEGR1	0	0	0	1
NEGR1-IT1	0	0	0	1
C1orf173	0	0	0	1
SLC44A5	0	0	0	1
ASB17	0	0	0	1
ELTD1	0	0	0	1
MIR548AP	0	0	0	1
LOC100505768	0	0	0	1
GBP7	0	0	0	1
GBP5	0	0	0	1
BARHL2	0	0	0	1
HFM1	0	0	0	1
MIR137,MIR137H	0	0	0	1

MIR2682	0	0	0	1
LPPR5	0	0	0	1
LOC100128787	0	0	0	1
RNU6-6	0	0	0	1
OLFM3	0	0	0	1
COL11A1	0	0	0	1
AMY1A	0	0	0	1
VAV3	0	0	0	1
NBPF4	0	0	0	1
HENMT1	0	0.00517839	inf	1
MYBPHL	0	0.00860239	inf	1
EPS8L3	0	0	0	1
KCNA10	0	0	0	1
KCNA2	0	0	0	1
KCNA3	0	0	0	1
LRIF1	0	0.0130925	inf	1
PGCP1	0	0.025539	inf	1
ADORA3	0	0	0	1
MIR4256	0	0	0	1
LOC643441	0	0	0	1
SYT6	0	0	0	1
DENND2C	0	0	0	1
TSPAN2	0	0	0	1
NGF	0	0	0	1
VTCN1	0	0	0	1
SPAG17	0	0.00219305	inf	1
HMGCS2	0	0	0	1
ADAM30	0	0	0	1
PPIAL4B	0	0	0	1
LOC653513	0	0	0	1
PDZK1P1	0	0	0	1
LINC00624	0	0.002674	inf	1
GJA5	0	0	0	1
PDZK1P1	0	0	0	1
MIR5087	0	0	0	1
FLJ39739	0	0	0	1
PPIAL4B	0	0	0	1
PPIAL4D	0	0	0	1
HIST2H3A	0	0	0	1
HIST2H4A	0	0	0	1
HORMAD1	0	0	0	1
SELENBP1	0	0	0	1
LINGO4	0	0.00508311	inf	1
C2CD4D	0	0	0	1
THEM5	0	0	0	1
TCHHL1	0	0	0	1
TCHH	0	0	0	1
RPTN	0	0	0	1
FLG2	0	0	0	1

CRNN	0	0	0	1
LCE3E	0	0	0	1
LCE3D	0	0	0	1
LCE3A	0	0	0	1
SPRR2D	0	0	0	1
SPRR2A	0	0	0	1
SPRR2B	0	0	0	1
SPRR2E	0	0	0	1
SPRR2F	0	0	0	1
SPRR2C	0	0	0	1
SPRR2G	0	0	0	1
PGLYRP3	0	0	0	1
PGLYRP4	0	0	0	1
S100A12	0	0	0	1
S100A8	0	0	0	1
S100A7L2	0	0	0	1
S100A7	0	0	0	1
MIR190B	0	0	0	1
SNORA42	0	0	0	1
C1orf61	0	0	0	1
MIR9-1	0	0	0	1
INSRR	0	0	0	1
MIR765	0	0	0	1
ETV3L	0	0	0	1
FCRL5	0	0	0	1
FCRL4	0	0	0	1
FCRL3	0	0	0	1
FCRL2	0	0	0	1
FCRL1	0	0	0	1
CD5L	0	0	0	1
LOC646268	0	0	0	1
CD1B	0	0	0	1
OR10T2	0	0	0	1
OR10K2	0	0	0	1
OR6Y1	0	0	0	1
OR6P1	0	0	0	1
OR10X1	0	0	0	1
SPTA1	0	0	0	1
OR6K2	0	0	0	1
OR6K3	0	0	0	1
OR6N1	0	0	0	1
OR6N2	0	0	0	1
AIM2	0	0	0	1
LOC100131825	0	0	0	1
OR10J3	0	0	0	1
OR10J5	0	0	0	1
CRP	0	0	0	1
IGSF9	0	0	0	1
SLAMF9	0	0	0	1

SLAMF6	0	0	0	1
SLAMF1	0	0	0	1
CD244	0	0	0	1
ITLN1	0	0	0	1
ITLN2	0	0	0	1
MPZ	0	0.00621325	inf	1
FCGR3A	0	0	0	1
FCGR3B	0	0	0	1
C1orf111	0	0	0	1
LOC100505795	0	0	0	1
LMX1A	0	0	0	1
RXRG	0	0	0	1
MIR921	0	0	0	1
ADCY10	0	0	0	1
XCL2	0	0	0	1
DPT	0	0	0	1
SELP	0	0	0	1
SELE	0	0	0	1
MIR3119-1	0	0	0	1
LOC284688	0	0	0	1
MIR1295A	0	0	0	1
MYOC	0	0	0	1
DNM3OS	0	0	0	1
TNFSF18	0	0	0	1
SLC9C2	0	0	0	1
SNORD81	0	0	0	1
SNORD79	0	76.8299	inf	1
SNORD78	0	0	0	1
SNORD44	0	801.784	inf	1
SNORD77	0	0	0	1
SNORD75	0	0	0	1
SNORD74	0	0	0	1
TNR	0	0	0	1
MIR488	0	0	0	1
LOC730102	0	0	0	1
MIR3121	0	0	0	1
RGS8	0	0	0	1
SHCBP1L	0	0	0	1
LOC100288079	0	0	0	1
MIR548F1	0	0	0	1
PTGS2	0	0	0	1
FAM5C	0	0	0	1
KCNT2	0	0	0	1
MIR4735	0	0	0	1
DENND1B	0	0	0	1
ATP6V1G3	0	0	0	1
MIR181B1	0	0	0	1
MIR181A1	0	0	0	1
CACNA1S	0	0	0	1

TNNT2	0	0	0	1
LAD1	0	0	0	1
RNU6-79	0	0	0	1
MYBPH	0	0	0	1
CHI3L1	0	0.00626173	inf	1
CHIT1	0	0	0	1
FMOD	0	0	0	1
LINC00303	0	0	0	1
KLHDC8A	0	0	0	1
MIR135B	0	0	0	1
LOC284578	0	0	0	1
PM20D1	0	0	0	1
SLC26A9	0	0	0	1
C1orf186	0	0	0	1
FAIM3	0	0	0	1
FCAMR	0	0	0	1
MIR29C	0	0	0	1
MIR29B2	0	0	0	1
CD34	0	0	0	1
RD3	0	0	0	1
ESRRG	0	0	0	1
LOC728463	0	0	0	1
SLC30A10	0	0	0	1
MIR215	0	0	0	1
MIR194-1	0	0	0	1
MIR664,SNORA3f	0	0	0	1
C1orf140	0	0	0	1
MIR320B2	0	0	0	1
MIR4742	0	0	0	1
LEFTY1	0	0	0	1
ZNF847P	0	0	0	1
WNT9A	0	0	0	1
MIR5008	0	0	0	1
HIST3H3	0	0	0	1
PGBD5	0	0	0	1
LOC149373	0	0	0	1
LINC00582	0	0	0	1
LOC100506795	0	0.0031342	inf	1
MIR4753	0	0	0	1
MIR1537	0	0	0	1
NID1	0	0	0	1
MT1P2	0	0	0	1
ZP4	0	0	0	1
LOC339535	0	0	0	1
GREM2	0	0	0	1
RGS7	0	0	0	1
PLD5	0	0	0	1
LOC255654	0	0.0132121	inf	1
MIR3916	0	0	0	1

OR2B11	0	0	0	1
OR2C3	0	0	0	1
OR13G1	0	0	0	1
OR6F1	0	0	0	1
OR1C1	0	0	0	1
OR14A16	0	0	0	1
OR11L1	0	0	0	1
OR2T33	0	0	0	1
OR2T12	0	0	0	1
OR2M7	0	0	0	1
OR2T29	0	0	0	1
OR2T34	0	0	0	1
OR2T10	0	0	0	1
OR2T11	0	0	0	1
OR2T35	0	0	0	1
OR2T27	0	0	0	1
OR1411	0	0	0	1
LYPD8	0	0	0	1
LINC00200	0	0	0	1
ADARB2-AS1	0	0	0	1
LINC00705	0	0	0	1
AKR1E2	0	0	0	1
AKR1C1	0	0	0	1
AKR1C4	0	0	0	1
UCN3	0	0	0	1
CALML3	0	0	0	1
MIR3155A	0	0	0	1
GATA3	0	0	0	1
ECHDC3	0	0	0	1
MIR4480	0	0	0	1
MIR1265	0	0	0	1
ST8SIA6-AS1	0	0	0	1
MRC1	0	0	0	1
MIR511-1	0	0	0	1
MRC1	0	0	0	1
MIR511-2	0	0	0	1
SLC39A12	0	0.00706283	inf	1
PLXDC2	0	0	0	1
MIR4675	0	0	0	1
NEBL-AS1	0	0	0	1
LOC100130992	0	0	0	1
ARMC3	0	0	0	1
PTF1A	0	0	0	1
MIR603	0	0	0	1
MYO3A	0	0	0	1
GAD2	0	0	0	1
APBB1IP	0	0	0	1
LINC00202-2	0	0	0	1
MIR5586	0	0	0	1

LYZL1	0	0	0	1
ANKRD30A	0	0	0	1
ACTR3BP5	0	0	0	1
LINC00839	0	0	0	1
MIR5100	0	0	0	1
RET	0	0	0	1
FXYD4	0	0	0	1
LINC00619	0	0	0	1
LINC00840	0	0	0	1
LINC00841	0	0	0	1
LOC100130539	0	0	0	1
TMEM72	0	0	0	1
ANKRD30BP3	0	0	0	1
MIR3156-1	0	0	0	1
PPYR1	0	0	0	1
ANXA8L2	0	0	0	1
BMS1P2	0	0	0	1
FAM25C	0	0	0	1
ANXA8	0	0	0	1
FAM170B-AS1	0	0	0	1
C10orf71	0	0	0	1
CHAT	0	0	0	1
SLC18A3	0	0	0	1
C10orf53	0	0	0	1
MSMB	0	0	0	1
PRKG1	0	0	0	1
MIR605	0	0	0	1
DKK1	0	0	0	1
BICC1	0	0	0	1
FAM133CP	0	0.00382254	inf	1
PHYHIPL	0	0	0	1
C10orf107	0	0	0	1
MIR548AV	0	0	0	1
ANXA2P3	0	0	0	1
LRRTM3	0	0.00181974	inf	1
MYPN	0	0.00413302	inf	1
SNORD98	0	0	0	1
SRGN	0	0.00826593	inf	1
CHST3	0	0	0	1
MIR4676	0	0	0	1
OIT3	0	0	0	1
ZNF503-AS1	0	0	0	1
LINC00856	0	0.00446234	inf	1
SFTPA1	0	0	0	1
LOC100288974,M	0	0	0	1
PLAC9	0	0.084617	inf	1
SH2D4B	0	0.00335768	inf	1
NRG3	0	0	0	1
C10orf99	0	0	0	1

CDHR1	0	0	0	1
RGR	0	0	0	1
LINC00858	0	0	0	1
GRID1-AS1	0	0	0	1
MIR4678	0	0	0	1
LIPJ	0	0	0	1
LIPF	0	0	0	1
LIPK	0	0	0	1
LIPN	0	0	0	1
LIPM	0	0	0	1
MIR4679-1	0	0	0	1
IFIT1B	0	0	0	1
LOC643529	0	0	0	1
LINC00502	0	0	0	1
MARK2P9	0	0.0331331 inf		1
HHEX	0	0	0	1
CYP26C1	0	0	0	1
PDE6C	0	0	0	1
LG1	0	0	0	1
CYP2C18	0	0.0245561 inf		1
CYP2C19	0	0	0	1
C10orf129	0	0	0	1
DNTT	0	0	0	1
LOC100505540	0	0	0	1
MIR5692C2	0	0	0	1
NKX2-3	0	0	0	1
MIR608	0	0	0	1
FLJ41350	0	0	0	1
ELOVL3	0	0	0	1
MIR146B	0	0	0	1
LOC729020	0	0	0	1
INA	0	0	0	1
SORCS3	0	0	0	1
RNU6-53	0	0	0	1
RBM20	0	0	0	1
TECTB	0	0	0	1
MIR4295	0	0	0	1
HABP2	0	0	0	1
TDRD1	0	0	0	1
VWA2	0	0.00184401 inf		1
ATRNL1	0	0	0	1
CCDC172	0	0	0	1
PNLIPRP3	0	0	0	1
PNLIP	0	0	0	1
PNLIPRP2	0	0	0	1
KCNK18	0	0	0	1
EMX2	0	0	0	1
MIR4681	0	0	0	1
MIR4682	0	0	0	1

PPAPDC1A	0	0	0	1
MIR5694	0	0	0	1
MIR3941	0	0	0	1
FAM24A	0	0	0	1
GPR26	0	0	0	1
LOC100169752	0	0	0	1
NPS	0	0	0	1
FOXI2	0	0	0	1
C10orf91	0	0.0300205	inf	1
LOC399829	0	0	0	1
GPR123	0	0	0	1
UTF1	0	0	0	1
PRAP1	0	0	0	1
DUX2,DUX4,DUX-	0	0	0	1
MIR5699	0	0	0	1
ADARB2	0	0	0	1
LINC00700	0	0	0	1
LINC00701	0	0	0	1
LINC00704	0	0	0	1
AKR1C6P	0	0	0	1
AKR1C2	0	0	0	1
AKR1CL1	0	0	0	1
CALML5	0	0	0	1
IL2RA	0	0	0	1
MIR3155B	0	0	0	1
SFMBT2	0	0	0	1
GATA3-AS1	0	0	0	1
LINC00710	0	0	0	1
CELF2-AS2	0	0	0	1
UCMA	0	0	0	1
PPIAP30	0	0.0444638	inf	1
ITGA8	0	0	0	1
LOC100129213	0	0	0	1
C10orf113	0	0	0	1
MIR1915	0	0	0	1
EBLN1	0	0	0	1
C10orf67	0	0	0	1
GPR158-AS1	0	0	0	1
PTCHD3	0	0	0	1
MKX	0	0	0	1
ARMC4	0	0.00222777	inf	1
LINC00837	0	0	0	1
MIR604	0	0	0	1
MIR938	0	0	0	1
KIAA1462	0	0	0	1
LYZL2	0	0	0	1
LINC00838	0	0	0	1
MTRNR2L7	0	0	0	1
RASGEF1A	0	0.00408283	inf	1

HNRNPA3P1	0	0	0	1
CXCL12	0	0	0	1
RSU1P2	0	0	0	1
ZFAND4	0	0	0	1
PTPN20A,PTPN2I	0	0	0	1
FAM25C	0	0	0	1
AGAP9	0	0	0	1
GDF10	0	0	0	1
PTPN20A,PTPN2I	0	0	0	1
FRMPD2P1	0	0	0	1
FAM25C	0	0	0	1
FRMPD2	0	0	0	1
LRRC18	0	0	0	1
MIR4294	0	0	0	1
FAM170B	0	0	0	1
C10orf128	0	0	0	1
DRGX	0	0	0	1
OGDHL	0	0	0	1
PRKG1-AS1	0	0	0	1
MBL2	0	0	0	1
PCDH15	0	0	0	1
MIR3924	0	0	0	1
FAM13C	0	0	0	1
M1	0	0.0921884	inf	1
C10orf40	0	0	0	1
TMEM26	0	0	0	1
MIR1296	0	0	0	1
CTNNA3	0	0	0	1
NEUROG3	0	0	0	1
NPFFR1	0	0	0	1
TBATA	0	0	0	1
C10orf54	0	0	0	1
MIR1256	0	0	0	1
PLA2G12B	0	0	0	1
DUPD1	0	0	0	1
SFTPA2	0	0	0	1
SFTPD	0	0	0	1
DYDC1	0	0	0	1
LRIT2	0	0	0	1
LRIT1	0	0	0	1
MIR346	0	0	0	1
LOC728218	0	0	0	1
RNLS	0	0	0	1
ANKRD22	0	0	0	1
MIR4679-2	0	0	0	1
CH25H	0	0	0	1
SLC16A12	0	0	0	1
MIR107	0	0	0	1
HTR7	0	0	0	1

PPP1R3C	0	0	0	1
RBP4	0	0	0	1
LOC100128054	0	0	0	1
CYP2C8	0	0	0	1
PDLIM1	0	0	0	1
MIR3157	0	0	0	1
BLNK	0	0	0	1
OPALIN	0	0	0	1
SFRP5	0	0	0	1
MIR4685	0	0	0	1
HPSE2	0	0	0	1
CPN1	0	0	0	1
PKD2L1	0	0	0	1
TLX1NB	0	0	0	1
LBX1	0	0	0	1
MIR3158-2	0	0	0	1
PITX3	0	0	0	1
MIR609	0	0	0	1
MIR4482-1	0	0	0	1
SORCS1	0	0	0	1
GUCY2GP	0	0	0	1
MIR4483	0	0	0	1
AFAP1L2	0	0	0	1
GFRA1	0	0	0	1
VAX1	0	0	0	1
MIR3663	0	0	0	1
PRLHR	0	0.00885197 inf		1
SNORA19	0	2.54433 inf		1
C10orf120	0	0	0	1
NKX1-2	0	0	0	1
MIR4296	0	0	0	1
TEX36	0	0	0	1
MMP21	0	0.0221364 inf		1
LINC00601	0	0	0	1
C10orf90	0	0	0	1
CLRN3	0	0	0	1
MIR4297	0	0	0	1
MIR378C	0	0	0	1
NKX6-2	0	0	0	1
TTC40	0	0	0	1
MIR202	0	0	0	1
CALY	0	0	0	1
FUOM	0	0	0	1
MIR3944	0	0	0	1
FRG2B	0	0	0	1
SCGB1C1	0	0	0	1
ODF3	0	0	0	1
MUC2	0	0	0	1
KRTAP5-5	0	0	0	1

FAM99A	0	0	0	1
KRTAP5-6	0	0	0	1
SYT8	0	0	0	1
TNNT3	0	0	0	1
IGF2-AS	0	0	0	1
MIR4686	0	0	0	1
TSPAN32	0	0.0141751	inf	1
KCNQ1DN	0	0	0	1
MRGPRG-AS1	0	0	0	1
TRPC2	0	0	0	1
ART1	0	0	0	1
OR52K2	0	0	0	1
OR52K1	0	0	0	1
OR52M1	0	0	0	1
OR52I2	0	0	0	1
OR52I1	0	0	0	1
OR51D1	0	0	0	1
OR51E1	0	0	0	1
OR51F2	0	0	0	1
OR51T1	0	0	0	1
OR51A7	0	0	0	1
MMP26	0	0	0	1
OR51L1	0	0	0	1
OR52J3	0	0	0	1
OR51B6	0	0	0	1
OR51M1	0	0.0142624	inf	1
OR51Q1	0	0	0	1
OR52B6	0	0.0169477	inf	1
OR56B1	0	0	0	1
OR52N4	0	0	0	1
OR52N2	0	0	0	1
OR52E4	0	0	0	1
OR56A3	0	0	0	1
OR56B4	0	0	0	1
OR52W1	0	0	0	1
C11orf42	0	0	0	1
CCKBR	0	0	0	1
OR10A5	0	0	0	1
OR10A4	0	0	0	1
SYT9	0	0	0	1
OR5E1P	0	0	0	1
TUB	0	0.00158667	inf	1
KRT8P41	0	0	0	1
RASSF10	0	0	0	1
MYOD1	0	0	0	1
MRGPRX4	0	0	0	1
MIR4486	0	0	0	1
SLC6A5	0	0	0	1
NELL1	0	0	0	1

ANO5	0	0	0	1
SLC17A6	0	0	0	1
LUZP2	0	0	0	1
ANO3	0	0	0	1
FIBIN	0	0	0	1
MIR610	0	0	0	1
DKFZp686K1684	0	0.00613885	inf	1
WT1-AS	0	0	0	1
EHF	0	0	0	1
MIR1343	0	0	0	1
MIR3973	0	0	0	1
MIR670	0	0	0	1
MIR129-2	0	0	0	1
LOC221122	0	0	0	1
LOC100507384	0	0	0	1
MIR4688	0	0	0	1
MIR3160-2	0	0	0	1
OR4B1	0	0	0	1
OR4X2	0	0	0	1
OR4X1	0	0	0	1
OR4S1	0	0	0	1
OR4C3	0	0	0	1
OR4A47	0	0	0	1
TRIM49B	0	0	0	1
LOC440040	0	0	0	1
OR4C13	0	0	0	1
LOC646813	0	0	0	1
OR4C46	0	0	0	1
TRIM48	0	0	0	1
OR4A16	0	0	0	1
OR4A15	0	0	0	1
OR4C15	0	0	0	1
OR4C16	0	0	0	1
OR4P4	0	0	0	1
OR4S2	0	0	0	1
OR4C6	0	0	0	1
OR5D13	0	0	0	1
OR5D14	0	0	0	1
OR5L1	0	0	0	1
OR5D18	0	0	0	1
OR5L2	0	0	0	1
OR5D16	0	0	0	1
TRIM51	0	0	0	1
OR5AS1	0	0	0	1
OR8I2	0	0	0	1
OR8H2	0	0	0	1
OR8H3	0	0	0	1
OR5J2	0	0	0	1
OR5T3	0	0	0	1

OR5T1	0	0	0	1
OR8K3	0	0	0	1
OR8K1	0	0	0	1
OR8J1	0	0	0	1
OR8U1,OR8U8	0	0	0	1
OR5AR1	0	0	0	1
OR9G9	0	0	0	1
OR5AK2	0	0	0	1
OR5AK4P	0	0	0	1
LRRC55	0	0	0	1
P2RX3	0	0	0	1
MIR130A	0	0	0	1
OR9Q1	0	0	0	1
OR6Q1	0	0	0	1
OR9Q2	0	0	0	1
OR1S1	0	0	0	1
GLYATL1	0	0	0	1
OR5AN1	0	0	0	1
OR5A1	0	0	0	1
OR4D6	0	0	0	1
OR4D10	0	0	0	1
OR4D11	0	0	0	1
OR4D9	0	0	0	1
PLAC1L	0	0	0	1
MS4A3	0	0	0	1
MS4A2	0	0	0	1
MS4A4A	0	0	0	1
MS4A6E	0	0	0	1
MS4A5	0	0	0	1
MS4A1	0	0	0	1
MS4A12	0	0	0	1
MS4A13	0	0	0	1
LINC00301	0	0	0	1
MS4A8B	0	0	0	1
MS4A15	0	0	0	1
MS4A10	0	0	0	1
PGA3	0	0	0	1
PGA4	0	0	0	1
PGA5	0	0	0	1
MIR4488	0	0	0	1
LRRC10B	0	0	0	1
SCGB1D1	0	0	0	1
SCGB2A1	0	0	0	1
SCGB1D2	0	0.0695807	inf	1
SCGB2A2	0	0	0	1
SCGB1A1	0	0	0	1
LGALS12	0	0	0	1
MIR1237	0	0	0	1
SLC22A12	0	0	0	1

SPDYC	0	0	0	1
MIR548AR	0	0	0	1
MIR4690	0	0	0	1
MIR4489	0	0	0	1
CTSW	0	0.0114176	inf	1
NPAS4	0	0.00470609	inf	1
C11orf86	0	0.0153941	inf	1
TBC1D10C	0	0	0	1
MIR4691	0	0	0	1
ANO1	0	0.00390602	inf	1
MIR548K	0	0	0	1
SHANK2-AS3	0	0	0	1
DEFB108B	0	0	0	1
LOC100129216	0	0	0	1
FOLR1	0	0	0	1
FOLR2	0	0	0	1
MIR4692	0	0	0	1
SLCO2B1	0	0	0	1
TPBGL	0	0	0	1
MOGAT2	0	0	0	1
THRSP	0	0	0	1
CCDC83	0	0	0	1
GRM5-AS1	0	0	0	1
TYR	0	0	0	1
FOLH1B	0	0	0	1
TRIM77	0	0	0	1
MIR5692A1	0	0	0	1
TRIM53AP	0	0	0	1
TRIM49D1P,TRIM	0	0	0	1
TRIM64	0	0	0	1
TRIM49C	0	0	0	1
UBTFL1	0	0	0	1
FAT3	0	0	0	1
MTNR1B	0	0	0	1
CCDC67	0	0.00329332	inf	1
LOC643037	0	0	0	1
KDM4E	0	0	0	1
MIR1260B	0	0	0	1
CNTN5	0	0	0	1
LOC101054525	0	0	0	1
WTAPP1	0	0	0	1
MIR4693	0	0	0	1
DDI1	0	0	0	1
LOC643923	0	0	0	1
RAB39A	0	0	0	1
C11orf87	0	0	0	1
MIR4491	0	0	0	1
MIR34B	0	0	0	1
MIR34C	0	0	0	1

LAYN	0	0.00458987	inf	1
CLDN25	0	0	0	1
HTR3B	0	0	0	1
HTR3A	0	0	0	1
ZBTB16	0	0	0	1
NXPE2	0	0.00492784	inf	1
APOC3	0	0	0	1
TMPRSS4	0	0	0	1
CD3E	0	0	0	1
CD3G	0	0	0	1
MIR4492	0	0	0	1
FOXR1	0	0	0	1
GRIK4	0	0	0	1
SORL1	0	0	0	1
CRTAM	0	0.00774085	inf	1
LOC341056	0	0	0	1
OR8D4	0	0	0	1
OR4D5	0	0	0	1
OR10G4	0	0	0	1
OR10G9	0	0	0	1
OR10G8	0	0	0	1
OR8G2	0	0	0	1
OR8G1,OR8G5	0	0	0	1
OR8A1	0	0	0	1
PANX3	0	0.00661955	inf	1
HEPN1	0	0	0	1
PKNOX2	0	0	0	1
PATE1	0	0	0	1
PATE3	0	0	0	1
KIRREL3-AS2	0	0	0	1
KIRREL3-AS3	0	0	0	1
C11orf44	0	0	0	1
NTM	0	0	0	1
LOC100128239	0	0	0	1
IFITM5	0	0	0	1
KRTAP5-3	0	0	0	1
KRTAP5-4	0	0	0	1
FAM99B	0	0	0	1
MIR4298	0	0	0	1
MIR483	0	0	0	1
TH	0	0	0	1
ASCL2	0	0	0	1
C11orf21	0	0	0	1
MRGPRG	0	0	0	1
MRGPPE	0	0	0	1
OR52B4	0	0	0	1
C11orf40	0	0	0	1
OR51E2	0	0.00747166	inf	1
OR51F1	0	0	0	1

OR52R1	0	0	0	1
OR51S1	0	0	0	1
OR51G2	0	0	0	1
OR51G1	0	0	0	1
OR51A4	0	0	0	1
OR51A2	0	0	0	1
OR52E2	0	0	0	1
OR52A5	0	0	0	1
OR52A1	0	0	0	1
OR51V1	0	0	0	1
HBB	0	0	0	1
HBD	0	0.0651436	inf	1
OR51B2	0	0.0106696	inf	1
OR51I1	0	0	0	1
UBQLN3	0	0	0	1
UBQLNL	0	0.00506969	inf	1
OR52H1	0	0	0	1
OR52N5	0	0	0	1
OR52N1	0	0	0	1
OR52E6	0	0	0	1
OR52E8	0	0	0	1
OR56A5	0	0	0	1
OR52L1	0	0	0	1
OR56A4	0	0	0	1
OR56A1	0	0	0	1
OR52B2	0	0.0281405	inf	1
OR2AG2	0	0	0	1
OR6A2	0	0.00912898	inf	1
CYB5R2	0	0	0	1
OVCH2	0	0	0	1
OR5P2	0	0	0	1
OR5P3	0	0	0	1
LOC283299	0	0	0	1
OR10A6	0	0	0	1
OR10A3	0	0	0	1
NLRP10	0	0	0	1
RIC3	0	0.00135488	inf	1
LMO1	0	0	0	1
MIR5691	0	0	0	1
LYVE1	0	0	0	1
MRVI1	0	0	0	1
MIR4299	0	0	0	1
PTH	0	0	0	1
CALCA	0	0	0	1
ABCC8	0	0.00310557	inf	1
SAA3P	0	0.0220666	inf	1
SAA2,SAA2-SAA4	0	0.0486105	inf	1
PTPN5	0	0.00425256	inf	1
MRGPRX1	0	0	0	1

MRGPRX2	0	0	0	1
CSRP3	0	0	0	1
NAV2-AS5	0	0	0	1
NAV2-AS4	0	0	0	1
MIR4694	0	0	0	1
DBX1	0	0	0	1
CCDC179	0	0	0	1
KCNA4	0	0	0	1
DCDC1	0	0.0152575	inf	1
WT1	0	0	0	1
SLC1A2	0	0	0	1
LRRC4C	0	0	0	1
LOC100507205	0	0	0	1
HNRNPKP3	0	0	0	1
C11orf94	0	0.0667443	inf	1
MIR3160-1	0	0	0	1
MIR5582	0	0	0	1
MYBPC3	0	0.00384074	inf	1
OR4C45	0	0	0	1
TRIM64C	0	0	0	1
FOLH1	0	0	0	1
OR4C12	0	0	0	1
LOC441601	0	0	0	1
OR4A5	0	0	0	1
TRIM51HP	0	0	0	1
OR4C11	0	0	0	1
OR5W2	0	0	0	1
OR5I1	0	0	0	1
OR10AG1	0	0	0	1
OR7E5P	0	0	0	1
OR5F1	0	0	0	1
OR8J3	0	0	0	1
OR8K5	0	0	0	1
OR5T2	0	0	0	1
OR8H1	0	0	0	1
OR5R1	0	0	0	1
OR5M9	0	0	0	1
OR5M3	0	0	0	1
OR5M8	0	0	0	1
OR5M11	0	0	0	1
OR5M10	0	0	0	1
OR5M1	0	0	0	1
OR5AP2	0	0	0	1
OR9G4	0	0	0	1
APLNR	0	0.0035222	inf	1
PRG3	0	0	0	1
OR9I1	0	0	0	1
OR1S2	0	0	0	1
OR10Q1	0	0	0	1

OR10W1	0	0	0	1
OR5B17	0	0	0	1
OR5B3	0	0	0	1
OR5B2	0	0	0	1
OR5B12	0	0.0108904 inf		1
OR5B21	0	0	0	1
GLYAT	0	0.00384216 inf		1
GLYATL2	0	0	0	1
LOC283194	0	0	0	1
MPEG1	0	0.00230249 inf		1
OR5A2	0	0	0	1
MIR3162	0	0	0	1
OR10V1	0	0	0	1
GIF	0	0.0145143 inf		1
TCN1	0	0	0	1
MS4A6A	0	0	0	1
MIR1908	0	0	0	1
SCGB1D4	0	0	0	1
SNORD30	0	0	0	1
SNORD29	0	0	0	1
SNORD26	0	0	0	1
SNORD25	0	0	0	1
SLC22A6	0	0	0	1
SLC22A8	0	0	0	1
SLC22A24	0	0	0	1
SLC22A25	0	0	0	1
MIR3680-2	0	0	0	1
HRASLS5	0	0	0	1
MIR192	0	0	0	1
MIR194-2	0	0	0	1
GPHA2	0	0	0	1
C11orf85	0	0	0	1
LOC100130348	0	0	0	1
CD248	0	0	0	1
CTSF	0	0	0	1
GPR152	0	0	0	1
CABP2	0	0	0	1
MRGPRD	0	0	0	1
MRGPRF	0	0	0	1
FGF19	0	0	0	1
FGF4	0	0	0	1
FGF3	0	0	0	1
MIR3664	0	0	0	1
KRTAP5-11	0	0	0	1
MIR3165	0	0	0	1
MIR139	0	0	0	1
KCNE3	0	0	0	1
CHRD2	0	0	0	1
MIR4696	0	0	0	1

OR2AT4	0	0	0	1
MIR326	0	0	0	1
LOC283214	0	0	0	1
LRRC32	0	0	0	1
GUCY2EP	0	0	0	1
GDPD4	0	0	0	1
RNU6-83	0	0	0	1
MIR708	0	0	0	1
MIR5579	0	0	0	1
MIR4300	0	0	0	1
FAM181B	0	0	0	1
SNORA70E	0	0	0	1
OR7E2P	0	0	0	1
GRM5	0	0	0	1
TRIM49	0	0	0	1
TRIM64B	0	0	0	1
TRIM49D1P,TRIM	0	0	0	1
TRIM53AP	0	0	0	1
MIR4490	0	0	0	1
SNORD5	0	0	0	1
MIR1304	0	0	0	1
JRKL-AS1	0	0	0	1
PGR	0	0	0	1
MIR3920	0	0	0	1
ANGPTL5	0	0.00372056	inf	1
MMP20	0	0	0	1
MMP27	0	0	0	1
MMP8	0	0	0	1
MMP12	0	0	0	1
MMP13	0	0.00605919	inf	1
PDGFD	0	0	0	1
CASP12	0	0	0	1
CARD17	0	0	0	1
CARD18	0	0	0	1
ARHGAP20	0	0	0	1
LOC100132078	0	0	0	1
BTG4	0	0	0	1
IL18	0	0.0191875	inf	1
LOC100288346	0	0	0	1
DRD2	0	0	0	1
MIR4301	0	0	0	1
NXPE1	0	0	0	1
NXPE4	0	0	0	1
LOC283143	0	0	0	1
APOA5	0	0	0	1
DSCAML1	0	0	0	1
TMPRSS4-AS1	0	0	0	1
SCN2B	0	0.00507397	inf	1
AMICA1	0	0.00516975	inf	1

TREH	0	0.00619183	inf	1
MFRP	0	0	0	1
THY1	0	0	0	1
TRIM29	0	0	0	1
LOC649133	0	0	0	1
MIR125B1	0	0	0	1
BLID	0	0	0	1
MIRLET7A2	0	0	0	1
MIR100	0	0	0	1
BSX	0	0	0	1
MIR4493	0	0	0	1
OR6X1	0	0	0	1
OR6M1	0	0	0	1
TMEM225	0	0	0	1
OR6T1	0	0	0	1
OR10S1	0	0	0	1
OR10G7	0	0	0	1
OR8D1	0	0	0	1
OR8D2	0	0	0	1
OR8B2	0	0	0	1
OR8B3	0	0	0	1
OR8B4	0	0	0	1
OR8B8	0	0	0	1
OR8B12	0	0	0	1
HEPACAM	0	0.00398461	inf	1
PATE2	0	0.00604116	inf	1
MIR3167	0	0	0	1
FLI1-AS1	0	0	0	1
SPATA19	0	0	0	1
CACNA1C	0	0	0	1
CACNA1C-IT3	0	0	0	1
KCNA1	0	0	0	1
KCNA5	0	0	0	1
NTF3	0	0	0	1
MIR200C	0	0	0	1
MIR141	0	0	0	1
ACSM4	0	0	0	1
DPPA3	0	0	0	1
NANOGNB	0	0	0	1
CLEC6A	0	0	0	1
CLEC4D	0	0	0	1
KLRF1	0	0	0	1
KLRF2	0	0	0	1
CLEC12A	0	0	0	1
CLEC12B	0	0	0	1
CLEC9A	0	0	0	1
TMEM52B	0	0	0	1
MIR1244-2	0	0	0	1
MIR613	0	0	0	1

MIR614	0	0	0	1
PDE6H	0	0	0	1
PTPRO	0	0	0	1
SKP1P2	0	0.00579097	inf	1
MIR3974	0	0	0	1
PIK3C2G	0	0	0	1
CAPZA3	0	0	0	1
LOC100506393	0	0	0	1
PDE3A	0	0.00383658	inf	1
MIR920	0	0	0	1
LRMP	0	0	0	1
LOC101055625	0	0	0	1
C12orf40	0	0	0	1
LRRK2	0	0	0	1
CNTN1	0	0.00172342	inf	1
MIR4698	0	0	0	1
PCED1B	0	0	0	1
C12orf68	0	0	0	1
ANP32D	0	0	0	1
OR8S1	0	0	0	1
LOC255411	0	0	0	1
WNT1	0	0	0	1
AQP2	0	0	0	1
AQP5	0	0	0	1
TMPRSS12	0	0	0	1
HIGD1C	0	0	0	1
ANKRD33	0	0	0	1
HOXC12	0	0	0	1
MIR196A2	0	0	0	1
MIR615	0	0	0	1
LOC100240734	0	0	0	1
MIR148B	0	0	0	1
MUCL1	0	0	0	1
NEUROD4	0	0	0	1
OR9K2	0	0	0	1
OR10A7	0	0	0	1
OR6C74	0	0	0	1
OR6C1	0	0	0	1
OR6C3	0	0	0	1
OR6C75	0	0	0	1
OR6C65	0	0	0	1
OR6C76	0	0	0	1
OR6C2	0	0	0	1
OR6C68	0	0	0	1
OR6C4	0	0	0	1
OR2AP1	0	0	0	1
OR10P1	0	0	0	1
MIR1228	0	0	0	1
DTX3	0	0	0	1

ARHGEF25	0	0	0	1
SLC26A10	0	0	0	1
MIRLET7I	0	0	0	1
MIR548C	0	0	0	1
FLJ41278	0	0	0	1
IRAK3	0	0.00122667	inf	1
MIR3913-2	0	0	0	1
TPH2	0	0	0	1
TRHDE	0	0	0	1
MIR1252	0	0	0	1
MIR5692B	0	0	0	1
PTPRQ	0	0	0	1
MYF6	0	0	0	1
MYF5	0	0	0	1
ACSS3	0	0	0	1
MIR4699	0	0	0	1
LRRRIQ1	0	0	0	1
ALX1	0	0	0	1
NTS	0	0	0	1
LINC00615	0	0	0	1
CLLU1	0	0	0	1
C12orf74	0	0	0	1
MIR5700	0	0	0	1
KRT19P2,MIR492	0	0	0	1
MIR331	0	0	0	1
MIR3685	0	0	0	1
PGAM1P5	0	0	0	1
RMST	0	0	0	1
MIR1251	0	0	0	1
MIR135A2	0	0	0	1
MIR1827	0	0	0	1
SLC17A8	0	0	0	1
NR1H4	0	0	0	1
SPIC	0	0	0	1
MYBPC1	0	0	0	1
STAB2	0	0.00387034	inf	1
MIR3922	0	0	0	1
RFX4	0	0	0	1
ASCL4	0	0	0	1
WSCD2	0	0	0	1
DAO	0	0	0	1
MIR4497	0	0	0	1
CCDC63	0	0	0	1
LOC100131138	0	0	0	1
TBX5-AS1	0	0	0	1
CCDC60	0	0	0	1
TMEM233	0	0	0	1
MIR5188	0	3.16172	inf	1
LOC100128554	0	0	0	1

TMEM132C	0	0	0	1
MIR3612	0	0	0	1
FZD10	0	0	0	1
PIWIL1	0	0	0	1
FAM138D	0	0	0	1
LOC574538	0	0	0	1
MIR3649	0	0	0	1
CACNA2D4	0	0.00470076	inf	1
CACNA1C-AS4	0	0	0	1
CACNA1C-AS1	0	0	0	1
LOC283440	0	0	0	1
FGF23	0	0.00387478	inf	1
FGF6	0	0	0	1
SCARNA11	0	0	0	1
CD163	0	0	0	1
APOBEC1	0	0	0	1
GDF3	0	0	0	1
CLEC4C	0	0	0	1
CLEC4E	0	0	0	1
AICDA	0	0.0109236	inf	1
PZP	0	0	0	1
A2MP1	0	0	0	1
MIR1244-1	0	0	0	1
KLRB1	0	0	0	1
CD69	0	0	0	1
CLEC2A	0	0	0	1
CLEC1B	0	0	0	1
CLEC1A	0	0	0	1
OLR1	0	0	0	1
KLRC4,KLRC4-KL	0	0	0	1
KLRC3	0	0.00929536	inf	1
KLRC2	0	0	0	1
KLRC1	0	0	0	1
TAS2R7	0	0	0	1
TAS2R8	0	0	0	1
TAS2R9	0	0	0	1
TAS2R13	0	0	0	1
TAS2R46	0	0	0	1
TAS2R42	0	0	0	1
PRB4	0	0	0	1
PRB1	0	0	0	1
PRB2	0	0	0	1
RNU6-19	0	0	0	1
C12orf36	0	0.00292618	inf	1
GRIN2B	0	0.00165582	inf	1
ART4	0	0	0	1
MGP	0	0	0	1
ERP27	0	0	0	1
RERG	0	0	0	1

SLC15A5	0	0	0	1
LMO3	0	0	0	1
RERGL	0	0	0	1
PLCZ1	0	0	0	1
KCNJ8	0	0	0	1
SOX5	0	0	0	1
LINC00477	0	0	0	1
C12orf77	0	0	0	1
MIR4302	0	0	0	1
LOC100506451	0	0	0	1
MANSC4	0	0.0202584 inf		1
OVCH1	0	0	0	1
TMTC1	0	0.00230919 inf		1
RNU6-78	0	0	0	1
SYT10	0	0	0	1
CPNE8	0	0	0	1
ABCD2	0	0	0	1
ADAMTS20	0	0	0	1
DBX2	0	0	0	1
RNY5	0	0	0	1
AMIGO2	0	0	0	1
PCED1B-AS1	0	0	0	1
OR10AD1	0	0	0	1
LALBA	0	0	0	1
SNORA2B	0	0	0	1
MIR4701	0	0	0	1
LOC283332	0	0	0	1
MIR1293	0	0	0	1
FIGNL2	0	0	0	1
LOC283403	0	0	0	1
KRT85	0	0	0	1
KRT84	0	0	0	1
KRT82	0	0	0	1
KRT6B	0	0	0	1
KRT6C	0	0	0	1
KRT6A	0	0	0	1
KRT71	0	0	0	1
KRT74	0	0	0	1
KRT72	0	0	0	1
KRT73	0	0.0064925 inf		1
KRT2	0	0	0	1
KRT77	0	0	0	1
KRT76	0	0	0	1
KRT3	0	0.014138 inf		1
KRT4	0	0.00616394 inf		1
HOXC-AS5	0	0	0	1
GTSF1	0	0	0	1
PPP1R1A	0	0	0	1
GLYCAM1	0	0	0	1

LACRT	0	0	0	1
TESPA1	0	0	0	1
OR6C6	0	0	0	1
OR6C70	0	0	0	1
APOF	0	0.0063691 inf		1
SNORD59B	0	0	0	1
SNORD59A	0	0	0	1
TAC3	0	0.0436053 inf		1
B4GALNT1	0	0	0	1
MIR26A2	0	0	0	1
AVPR1A	0	0	0	1
C12orf56	0	0	0	1
IFNG	0	0	0	1
IL26	0	0	0	1
IL22	0	0	0	1
SNORA70G	0	0	0	1
MIR1279	0	0	0	1
MIR3913-1	0	0	0	1
TRHE-AS1	0	0	0	1
LOC100507377	0	0	0	1
KCNC2	0	0	0	1
LIN7A	0	0	0	1
MIR617	0	0	0	1
MIR618	0	0	0	1
PPFIA2	0	0	0	1
SLC6A15	0	0	0	1
RASSF9	0	0	0	1
MGAT4C	0	0	0	1
MIR548AL	0	0	0	1
MKRN9P	0	0	0	1
CCER1	0	0	0	1
EPYC	0	0	0	1
KERA	0	0	0	1
DCN	0	0	0	1
CLU10S	0	0	0	1
LOC643339	0	0	0	1
MIR4303	0	0	0	1
SLC9A7P1	0	0	0	1
SLC5A8	0	0	0	1
PAH	0	0	0	1
C12orf42	0	0	0	1
LOC100287944	0	0	0	1
LOC728739	0	0	0	1
CMKLR1	0	0	0	1
SVOP	0	0	0	1
RASAL1	0	0.00331322 inf		1
LHX5	0	0	0	1
TBX5	0	0	0	1
MIR620	0	0	0	1

MIR4472-2	0	0	0	1
KSR2	0	0	0	1
LOC144742	0	0	0	1
MIR4498	0	0	0	1
MORN3	0	0	0	1
IL31	0	0	0	1
MIR4304	0	0	0	1
LOC400084	0	0	0	1
LOC440117	0	0	0	1
TMEM132D	0	0	0	1
LOC100190940	0	0.00377402	inf	1
LRCOL1	0	0	0	1
ANHX	0	0	0	1
LINC00442	0	0	0	1
RNU6-52	0	0	0	1
LINC00421	0	0	0	1
SGCG	0	0	0	1
LINC00327	0	0	0	1
TNFRSF19	0	0	0	1
MIR2276	0	0	0	1
RNF17	0	0	0	1
ATP8A2	0	0	0	1
SNORD102	0	0	0	1
GSX1	0	0	0	1
LINC00544	0	0	0	1
LINC00398	0	0	0	1
MEDAG	0	0	0	1
TEX26	0	0	0	1
RXFP2	0	0	0	1
EEF1DP3	0	0	0	1
KL	0	0	0	1
SPG20OS	0	0	0	1
CCNA1	0	0	0	1
SERTM1	0	0	0	1
LINC00547	0	0	0	1
LINC00366	0	0	0	1
FREM2	0	0	0	1
LINC00332	0	0	0	1
RGCC	0	0	0	1
TNFSF11	0	0	0	1
FAM216B	0	0	0	1
LINC00284	0	0	0	1
SERP2	0	0	0	1
CYSLTR2	0	0	0	1
ARL11	0	0	0	1
MIR4703	0	0	0	1
MIR759	0	0	0	1
OLFM4	0	0	0	1
LINC00558	0	0	0	1

MIR5007	0	0	0	1
PRR20B	0	0	0	1
PRR20D	0	0	0	1
PRR20E	0	0	0	1
PRR20A	0	0	0	1
PRR20A	0	0	0	1
PCDH17	0	0	0	1
DIAPH3-AS1	0	0	0	1
DIAPH3-AS2	0	0	0	1
OR7E156P	0	0.0159505	inf	1
PCDH9-AS2	0	0	0	1
PCDH9-AS3	0	0	0	1
ATXN8OS	0	0	0	1
LINC00348	0	0	0	1
LINC00381	0	0.022536	inf	1
LINC00347	0	0	0	1
BTF3P11	0	0	0	1
IRG1	0	0	0	1
MYCBP2-AS1	0	0	0	1
SCEL	0	0	0	1
SLAIN1	0	0	0	1
LINC00446	0	0	0	1
POU4F1-AS1	0	0	0	1
LINC00333	0	0	0	1
LINC00351	0	0	0	1
SLITRK5	0	0	0	1
LINC00433	0	0	0	1
MIR622	0	0	0	1
GPC5	0	0	0	1
GPC6	0	0	0	1
CLDN10	0	0	0	1
HS6ST3	0	0	0	1
MIR3170	0	0	0	1
FKSG29	0	0	0	1
MIR623	0	0	0	1
MIR4306	0	0	0	1
ITGBL1	0	0.00352089	inf	1
FGF14-AS2	0	0	0	1
DAOA	0	0	0	1
LINC00343	0	0	0	1
LINC00551	0	0	0	1
LINC00443	0	0	0	1
MYO16	0	0	0	1
COL4A2	0	0.00472594	inf	1
SOX1	0	0	0	1
SPACA7	0	0	0	1
C13orf35	0	0	0	1
TMEM255B	0	0	0	1
TUBA3C	0	0	0	1

ANKRD26P3	0	0	0	1
GJB2	0	0	0	1
GJB6	0	0	0	1
MIR4499	0	0	0	1
LINC00424	0	0	0	1
BASP1P1	0	0	0	1
SPATA13-AS1	0	0	0	1
AMER2	0	0	0	1
SHISA2	0	0	0	1
PRHOXNB	0	0	0	1
FLT3	0	0	0	1
FLT1	0	0.00486436	inf	1
LINC00297	0	0	0	1
LINC00426	0	0	0	1
TEX26-AS1	0	0.00519266	inf	1
LINC00423	0	0	0	1
LINC00457	0	0	0	1
MAB21L1	0	0	0	1
DCLK1	0	0	0	1
CCDC169,CCDC1	0	0	0	1
SPG20	0	0.00155801	inf	1
CSNK1A1L	0	0	0	1
POSTN	0	0	0	1
TRPC4	0	0	0	1
LINC00571	0	0	0	1
LHFP	0	0	0	1
MIR4305	0	0	0	1
LINC00548	0	0	0	1
MIR320D1	0	0	0	1
SMIM2-IT1	0	0	0	1
LINC00330	0	0	0	1
FAM194B	0	0	0	1
SIAH3	0	0	0	1
KIAA0226L	0	0	0	1
HTR2A	0	0	0	1
MIR3613	0	0	0	1
MIR16-1	0	0	0	1
MIR15A	0	0	0	1
GUCY1B2	0	0	0	1
MIR5693	0	0	0	1
LECT1	0	0	0	1
PCDH8	0	0.00634185	inf	1
MIR1297	0	0	0	1
MIR3169	0	0	0	1
PCDH20	0	0	0	1
PCDH9	0	0	0	1
LINC00550	0	0	0	1
KLHL1	0	0	0	1
MIR3665	0	0	0	1

EDNRB	0	0	0	1
LINC00331	0	0	0	1
NDFIP2-AS1	0	0	0	1
SLITRK1	0	0.00243956	inf	1
SLITRK6	0	0	0	1
MIR4500	0	0	0	1
LINC00353	0	0	0	1
LINC00559	0	0	0	1
LINC00410	0	0	0	1
LINC00379	0	0	0	1
GPC5-AS1	0	0	0	1
GPC6-AS2	0	0	0	1
SOX21	0	0	0	1
CLDN10-AS1	0	0	0	1
LINC00359	0	0	0	1
OXGR1	0	0	0	1
MIR548AN	0	0	0	1
PCCA-AS1	0	0	0	1
NALCN	0	0	0	1
FGF14	0	0	0	1
MIR2681	0	0	0	1
MIR4705	0	0	0	1
FGF14-IT1	0	0	0	1
METTL21C	0	0.00990095	inf	1
SLC10A2	0	0	0	1
MIR548AS	0	0	0	1
DAOA-AS1	0	0	0	1
FAM155A	0	0	0	1
MYO16-AS1	0	0	0	1
COL4A1	0	0	0	1
COL4A2-AS1	0	0	0	1
ATP4B	0	0	0	1
LINC00552	0	0	0	1
OR11H12	0	0	0	1
POTEG	0	0	0	1
LOC101101776	0	0	0	1
OR4Q3	0	0	0	1
OR4M1	0	0	0	1
OR4N2	0	0	0	1
OR4K2	0	0	0	1
OR4K5	0	0	0	1
OR4K1	0	0	0	1
OR4K15	0	0	0	1
OR4L1	0	0	0	1
OR4K17	0	0	0	1
OR4N5	0	0	0	1
OR11G2	0	0	0	1
OR11H6	0	0	0	1
OR11H4	0	0	0	1

RNASE10	0	0	0	1
EDDM3A	0	0	0	1
EDDM3B	0	0	0	1
RNASE6	0	0	0	1
ECRP	0	0.0183598	inf	1
TPPP2	0	0	0	1
OR4E2	0	0	0	1
PSMB11	0	0.00875198	inf	1
IL25	0	0	0	1
CMTM5	0	0.0378831	inf	1
CPNE6	0	0	0	1
MIR4307	0	0	0	1
LINC00645	0	0	0	1
FOXG1	0	0	0	1
NPAS3	0	0.00181484	inf	1
IGBP1P1	0	0	0	1
INSM2	0	0.0101656	inf	1
LINC00609	0	0	0	1
MIA2	0	0	0	1
LRFN5	0	0	0	1
SNORD127	0	0	0	1
GNG2	0	0	0	1
PTGDR	0	0	0	1
OTX2-AS1	0	0.00435152	inf	1
LRRC9	0	0	0	1
SIX6	0	0	0	1
PRKCH	0	0	0	1
FLJ22447	0	0	0	1
SYT16	0	0	0	1
LINC00643	0	0	0	1
RHOJ	0	0	0	1
HSPA2	0	0.0297857	inf	1
MIR4706	0	0	0	1
LINC00238	0	0	0	1
FAM71D	0	0	0	1
GALNT16	0	0	0	1
SNORD56B	0	0	0	1
RGS6	0	0	0	1
MIR4505	0	0	0	1
VSX2	0	0	0	1
VRTN	0	0	0	1
BATF	0	0	0	1
C14orf166B	0	0	0	1
MIR1260A	0	0	0	1
NRXN3	0	0	0	1
DIO2-AS1	0	0	0	1
FLRT2	0	0	0	1
LOC283585	0	0	0	1
LOC283587	0	0	0	1

FOXN3-AS2	0	0	0	1
KCNK13	0	0	0	1
LINC00642	0	0	0	1
FAM181A	0	0	0	1
LINC00521	0	0	0	1
SERPINA4	0	0	0	1
SERPINA5	0	0	0	1
SERPINA13P	0	0	0	1
TCL6	0	0	0	1
TCL1B	0	0	0	1
LINC00617	0	0	0	1
BDKRB2	0	0	0	1
BDKRB1	0	0	0	1
C14orf177	0	0	0	1
HHIPL1	0	0	0	1
MIR5698	0	0	0	1
EML1	0	0	0	1
EVL	0	0	0	1
MIR345	0	0	0	1
SLC25A47	0	0.0138561	inf	1
LINC00523	0	0	0	1
DLK1	0	0	0	1
MIR2392	0	0	0	1
MEG3,MIR770	0	0	0	1
MIR493	0	0	0	1
MIR337	0	0	0	1
MIR665	0	0	0	1
MIR431	0	0	0	1
MIR433	0	0	0	1
MIR127	0	0	0	1
MIR432	0	0	0	1
MIR136	0	0	0	1
MEG8	0	0	0	1
SNORD113-1	0	0	0	1
SNORD113-2	0	0	0	1
SNORD113-4	0	0	0	1
SNORD113-5	0	0	0	1
SNORD113-6	0	0	0	1
SNORD113-7	0	0	0	1
SNORD113-9	0	0	0	1
SNORD114-1	0	0	0	1
SNORD114-2	0	0	0	1
SNORD114-3	0	0	0	1
SNORD114-4	0	0	0	1
SNORD114-5	0	0	0	1
SNORD114-6	0	0	0	1
SNORD114-7	0	0	0	1
SNORD114-8	0	0	0	1
SNORD114-9	0	0	0	1

SNORD114-10	0	0	0	1
SNORD114-11	0	0	0	1
SNORD114-12	0	0	0	1
SNORD114-13	0	0	0	1
SNORD114-14	0	0	0	1
SNORD114-15	0	0	0	1
SNORD114-16	0	0	0	1
SNORD114-17	0	0	0	1
SNORD114-18	0	0	0	1
SNORD114-19	0	0	0	1
SNORD114-20	0	0	0	1
SNORD114-21	0	0	0	1
SNORD114-22	0	0	0	1
SNORD114-23	0	0	0	1
SNORD114-24	0	0	0	1
SNORD114-25	0	0	0	1
SNORD114-26	0	0	0	1
SNORD114-27	0	0	0	1
SNORD114-28	0	0	0	1
SNORD114-29	0	0	0	1
SNORD114-30	0	0	0	1
SNORD114-31	0	0	0	1
MIR379	0	0	0	1
MIR411	0	0	0	1
MIR299	0	0	0	1
MIR380	0	0	0	1
MIR1197	0	0	0	1
MIR323A	0	0	0	1
MIR758	0	0	0	1
MIR329-1	0	0	0	1
MIR329-2	0	0	0	1
MIR494	0	0	0	1
MIR1193	0	0	0	1
MIR543	0	0	0	1
MIR495	0	0	0	1
MIR376C	0	0	0	1
MIR376A2	0	0	0	1
MIR654	0	0	0	1
MIR376B	0	0	0	1
MIR376A1	0	0	0	1
MIR300	0	0	0	1
MIR1185-1	0	0	0	1
MIR1185-2	0	0	0	1
MIR381	0	0	0	1
MIR487B	0	0	0	1
MIR539	0	0	0	1
MIR889	0	0	0	1
MIR655	0	0	0	1
MIR487A	0	0	0	1

MIR382	0	0	0	1
MIR134	0	0	0	1
MIR668	0	0	0	1
MIR485	0	0	0	1
MIR323B	0	0	0	1
MIR154	0	0	0	1
MIR496	0	0	0	1
MIR377	0	0	0	1
MIR541	0	0	0	1
MIR409	0	0	0	1
MIR412	0	0	0	1
MIR369	0	0	0	1
MIR410	0	0	0	1
MIR656	0	0	0	1
MEG9	0	0	0	1
MIR4309	0	0	0	1
TDRD9	0	0	0	1
MIR203	0	0	0	1
PLD4	0	0.0112191 inf		1
KIAA0125	0	0	0	1
LINC00226	0	0	0	1
LINC00221	0	0	0	1
LOC642426	0	0	0	1
LOC101101776	0	0	0	1
POTEM	0	0	0	1
OR11H2	0	0	0	1
OR4K14	0	0	0	1
OR4K13	0	0	0	1
SNORD126	0	0	0	1
KLHL33	0	0	0	1
RNASE9	0	0	0	1
OR6S1	0	0	0	1
RNASE1	0	0	0	1
RNASE13	0	0	0	1
OR5AU1	0	0	0	1
SALL2	0	0	0	1
OR10G3	0	0	0	1
OR10G2	0	0	0	1
CEBPE	0	0	0	1
SLC7A8	0	0.00477551 inf		1
SLC22A17	0	0	0	1
EFS	0	0	0	1
MIR208A	0	0	0	1
MIR208B	0	0	0	1
RIPK3	0	0	0	1
CMA1	0	0	0	1
CTSG	0	0	0	1
GZMH	0	0	0	1
GZMB	0	0	0	1

NOVA1	0	0	0	1
MIR548AI	0	0	0	1
MIR624	0	0	0	1
GPR33	0	0	0	1
SFTA3	0	0	0	1
NKX2-1	0	0	0	1
NKX2-8	0	0	0	1
MIR4503	0	0	0	1
CLEC14A	0	0	0	1
LINC00639	0	0	0	1
FSCB	0	0	0	1
RPL10L	0	0	0	1
MDGA2	0	0	0	1
MIR548Y	0	0	0	1
LINC00648	0	0	0	1
MIR5580	0	0	0	1
MIR4308	0	0	0	1
TBPL2	0	0	0	1
C14orf39	0	0	0	1
SIX1	0	0	0	1
TMEM30B	0	0	0	1
KCNH5	0	0	0	1
GPHB5	0	0	0	1
MIR4708	0	0	0	1
CCDC177	0	0	0	1
SLC8A3	0	0	0	1
RNU6-6	0	0	0	1
ZDHHC22	0	0	0	1
NGB	0	0	0	1
DIO2	0	0	0	1
GALC	0	0	0	1
KCNK10	0	0	0	1
CATSPERB	0	0	0	1
PRIMA1	0	0	0	1
FAM181A-AS1	0	0	0	1
ASB2	0	0	0	1
SERPINA11	0	0	0	1
SERPINA9	0	0	0	1
SERPINA12	0	0	0	1
GSC	0	0	0	1
MIR3173	0	0	0	1
LINC00341	0	0	0	1
SYNE3	0	0	0	1
TCL1A	0	0	0	1
LOC100129345	0	0	0	1
C14orf64	0	0	0	1
RTL1	0	0	0	1
DIO3OS	0	0	0	1
MIR1247	0	0	0	1

LINC00605	0	0	0	1
RD3L	0	0	0	1
MIR3545	0	0	0	1
TMEM179	0	0	0	1
MIR4710	0	0	0	1
ELK2AP	0	0	0	1
ADAM6	0	0	0	1
CHEK2P2	0	0	0	1
GOLGA8CP	0	0	0	1
CT60	0	0	0	1
OR4M2	0	0	0	1
OR4N4	0	0	0	1
RREP3	0	0	0	1
GOLGA6L1	0	0	0	1
GOLGA8EP	0	0.00153982	inf	1
MKRN3	0	0	0	1
PWRN1	0	0	0	1
SNORD109A	0	0	0	1
SNORD116-1	0	0	0	1
SNORD116-2	0	0	0	1
SNORD116-9	0	0	0	1
SNORD116-4	0	0	0	1
SNORD116-5	0	0	0	1
SNORD116-6	0	0	0	1
SNORD116-7	0	0	0	1
SNORD116-8	0	0	0	1
SNORD116-9	0	0	0	1
SNORD116-10	0	0	0	1
SNORD116-11	0	0	0	1
SNORD116-12	0	0	0	1
SNORD116-13	0	0	0	1
SNORD116-14	0	0	0	1
SNORD116-15	0	0	0	1
SNORD116-16	0	0	0	1
SNORD116-17	0	0	0	1
SNORD116-18	0	0	0	1
SNORD116-19	0	0	0	1
SNORD116-20	0	0	0	1
SNORD116-21	0	0	0	1
SNORD116-22	0	0	0	1
SNORD116-23	0	0	0	1
SNORD116-24	0	0	0	1
SNORD116-25	0	0	0	1
SNORD116-26	0	0	0	1
SNORD116-27	0	0	0	1
SNORD116-28	0	0	0	1
SNORD116-29	0	0	0	1
IPW	0	0	0	1
PAR1	0	0	0	1

SNORD115-1	0	0	0	1
SNORD115-2	0	0	0	1
SNORD115-3	0	0	0	1
SNORD115-4	0	0	0	1
SNORD115-5	0	0	0	1
SNORD115-6	0	0	0	1
SNORD115-7	0	0	0	1
SNORD115-8	0	0	0	1
SNORD115-9	0	0	0	1
SNORD115-10	0	0	0	1
SNORD115-43	0	0	0	1
SNORD115-10	0	0	0	1
SNORD115-13	0	0	0	1
SNORD115-14	0	0	0	1
SNORD115-16	0	0	0	1
SNORD115-18	0	0	0	1
SNORD115-18	0	0	0	1
SNORD115-17	0	0	0	1
SNORD115-15,SN	0	0	0	1
SNORD115-22	0	0	0	1
PAR4	0	0	0	1
SNORD115-24	0	0	0	1
SNORD115-25	0	0	0	1
SNORD115-26	0	0	0	1
SNORD115-27	0	0	0	1
SNORD115-28	0	0	0	1
SNORD115-11	0	0	0	1
SNORD115-30	0	0	0	1
SNORD115-31	0	0	0	1
SNORD115-32	0	0	0	1
SNORD115-33	0	0	0	1
SNORD115-35	0	0	0	1
SNORD115-11	0	0	0	1
SNORD115-37	0	0	0	1
SNORD115-38	0	0	0	1
SNORD115-39	0	0	0	1
SNORD115-40	0	0	0	1
SNORD115-41	0	0	0	1
SNORD115-10	0	0	0	1
SNORD115-11	0	0	0	1
SNORD115-44	0	0	0	1
SNORD115-45	0	0	0	1
SNORD115-47	0	0	0	1
SNORD115-48	0	0	0	1
SNORD109B	0	0	0	1
LOC100128714	0	0	0	1
LOC503519	0	0	0	1
GABRA5	0	0	0	1
GABRG3	0	0	0	1

GOLGA8F,GOLG	0	0	0	1
MIR4509-1	0	0	0	1
LOC100289656	0	0	0	1
ULK4P3	0	0	0	1
ULK4P2	0	0	0	1
GREM1	0	0	0	1
ATPBD4-AS1	0	0.00744139	inf	1
MIR4510	0	0	0	1
TMCO5A	0	0	0	1
C15orf53	0	0	0	1
C15orf54	0	0	0	1
THBS1	0	0	0	1
PHGR1	0	0	0	1
MIR626	0	0	0	1
RNU6-28	0	0	0	1
C15orf43	0	0	0	1
DUXA2	0	0	0	1
SEMA6D	0	0	0	1
SLC24A5	0	0	0	1
CTXN2	0	0	0	1
SLC12A1	0	0	0	1
MIR4712	0	0	0	1
MIR4713	0	0	0	1
GLDN	0	0	0	1
UNC13C	0	0	0	1
AQP9	0	0	0	1
LIPC	0	0	0	1
GCNT3	0	0.00449481	inf	1
FOXB1	0	0	0	1
MIR190A	0	0	0	1
KBTD13	0	0	0	1
MIR4311	0	0	0	1
MIR548H4	0	0	0	1
NOX5,SPESP1	0	0	0	1
LINC00277	0	0	0	1
LINC00593	0	0	0	1
TMEM202	0	0	0	1
MIR630	0	0	0	1
GOLGA6B	0	0	0	1
C15orf60	0	0.0118504	inf	1
TBC1D21	0	0	0	1
ISLR2	0	0	0	1
ISLR	0	0	0	1
CCDC33	0	0	0	1
LOC729739	0	0.0581383	inf	1
LMAN1L	0	0.020928	inf	1
GOLGA6D	0	0	0	1
ISL2	0	0.014386	inf	1
LOC253044	0	0	0	1

MIR5003	0	0	0	1
SH2D7	0	0.0335225	inf	1
CRABP1	0	0	0	1
MIR184	0	0	0	1
ANKRD34C	0	0	0	1
C15orf26	0	0	0	1
LOC390660	0	0	0	1
UBE2Q2P2.UBE2	0	0	0	1
GOLGA6L9	0	0	0	1
LOC440297	0	0	0	1
LOC390660	0	0	0	1
LOC440297	0	0	0	1
LOC283692	0	0	0	1
SCARNA15	0	0	0	1
MIR4515	0	0	0	1
TM6SF1	0	0	0	1
ADAMTSL3	0	0	0	1
EFTUD1P1	0	0.00981172	inf	1
SLC28A1	0	0	0	1
AGBL1	0	0	0	1
LINC00052	0	0	0	1
NTRK3-AS1	0	0	0	1
MIR1179	0	0	0	1
MIR7-2	0	0	0	1
ACAN	0	0	0	1
MIR9-3	0	0	0	1
LOC254559	0	0	0	1
ST8SIA2	0	0	0	1
C15orf32	0	0	0	1
MIR3175	0	0	0	1
LOC145820	0	0.00445092	inf	1
MIR1469	0	0	0	1
SPATA8	0	0	0	1
MIR4714	0	0	0	1
OR4F6	0	0	0	1
OR4F15	0	0	0	1
OR4F13P	0	0	0	1
FAM138E	0	0	0	1
GOLGA6L6	0	0	0	1
NBEAP1	0	0	0	1
POTEB	0	0	0	1
NF1P2	0	0	0	1
CXADRP2	0	0	0	1
POTEB	0	0	0	1
NF1P2	0	0	0	1
MIR4509-3	0	0	0	1
LOC440243	0	0	0	1
MIR4508	0	0	0	1
MAGEL2	0	0	0	1

NDN	0	0	0	1
PWRN2	0	0	0	1
ATP10A	0	0	0	1
MIR4715	0	0	0	1
OCA2	0	0	0	1
MIR4509-1	0	0	0	1
GOLGA8F,GOLG	0	0	0	1
GOLGA6L7P	0	0	0	1
FAM189A1	0	0	0	1
TRPM1	0	0	0	1
MIR211	0	0	0	1
LOC283710	0	0	0	1
TMCO5B	0	0	0	1
MIR1233-2	0	0	0	1
MIR1233-1	0	0	0	1
GJD2	0	0	0	1
MIR3942	0	0	0	1
LOC145845	0	0	0	1
GPR176	0	0	0	1
MIR4310	0	0	0	1
PLA2G4F	0	0	0	1
MIR627	0	0	0	1
EPB42	0	0	0	1
TGM5	0	0	0	1
TGM7	0	0	0	1
LCMT2	0	0	0	1
MIR4716	0	0	0	1
TNFAIP8L3	0	0.0052433	inf	1
CYP19A1	0	0	0	1
MIR1266	0	0	0	1
ONECUT1	0	0	0	1
WDR72	0	0	0	1
MIR628	0	0	0	1
PYGO1	0	0	0	1
PRTG	0	0.0014742	inf	1
ALDH1A2	0	0	0	1
MIR2116	0	0	0	1
C2CD4B	0	0	0	1
MGC15885	0	0	0	1
MIR1272	0	0	0	1
MIR4511	0	0	0	1
SNORD18C	0	0	0	1
SNORD18B	0	0	0	1
SNORD18A	0	0	0	1
MIR4312	0	0	0	1
MIR629	0	0	0	1
LARP6	0	0	0	1
CT62	0	0	0	1
GRAMD2	0	0.00354627	inf	1

HCN4	0	0	0	1
C15orf59	0	0	0	1
GOLGA6A	0	0	0	1
STRA6	0	0.0112609 inf		1
CYP11A1	0	0	0	1
MIR4513	0	0	0	1
MIR631	0	0	0	1
MIR4313	0	0	0	1
LINGO1	0	0	0	1
LOC645752	0	0	0	1
CHRNA4	0	0	0	1
LOC729911	0	0	0	1
LOC283688	0	0	0	1
MIR549	0	0	0	1
MIR4514	0	0	0	1
TMC3	0	0.00353209 inf		1
HDGFRP3	0	0	0	1
BNC1	0	0	0	1
LOC642423	0	0	0	1
MIR1276	0	0	0	1
LOC727915	0	0	0	1
MIR3529	0	0	0	1
RLBP1	0	0	0	1
RHCG	0	0	0	1
LOC283761	0	0	0	1
MIR5094	0	0	0	1
GABARAPL3	0	0	0	1
RGMA	0	0	0	1
LOC400456	0	0	0	1
FAM169B	0	0	0	1
PGPEP1L	0	0	0	1
DNM1P46	0	0	0	1
OR4F4	0	0	0	1
DDX11L9	0	0	0	1
DDX11L10	0	0	0	1
HBZ	0	0	0	1
HBM	0	0	0	1
HBQ1	0	0.112567 inf		1
MIR5587	0	0	0	1
MIR3176	0	0	0	1
MIR662	0	0	0	1
TPSAB1	0	0	0	1
TPSD1	0	0	0	1
MIR3177	0	0	0	1
RNF151	0	0.057043 inf		1
MIR4516	0	0	0	1
MIR3677	0	0	0	1
MIR940	0	0	0	1
MIR4717	0	0	0	1

NTN3	0	0.0351643	inf	1
PRSS41	0	0	0	1
PRSS21	0	0	0	1
ZG16B	0	0.0557166	inf	1
OR1F1	0	0	0	1
OR1F2P	0	0	0	1
OR2C1	0	0.0131697	inf	1
C16orf96	0	0.0110366	inf	1
SEC14L5	0	0	0	1
RBFOX1	0	0	0	1
MIR548X	0	0	0	1
CIITA	0	0.00289654	inf	1
TNFRSF17	0	0	0	1
MIR4718	0	0	0	1
MIR193B	0	0	0	1
MIR365A	0	0	0	1
MIR3179-3	0	0	0	1
MIR3180-3	0	0	0	1
MIR3179-1	0	0	0	1
MIR3180-1	0	0	0	1
ABCC6P1	0	0	0	1
CLEC19A	0	0.00334614	inf	1
ACSM2A	0	0	0	1
MIR548D2	0	0	0	1
SCNN1G	0	0	0	1
SCNN1B	0	0	0	1
CHP2	0	0	0	1
PRKCB	0	0	0	1
CACNG3	0	0	0	1
HS3ST4	0	0	0	1
C16orf82	0	0	0	1
CD19	0	0	0	1
MIR4517	0	0	0	1
LOC606724	0	0	0	1
ZG16	0	0.00527748	inf	1
C16orf92	0	0	0	1
MIR4518	0	0	0	1
ITGAD	0	0.00331909	inf	1
AHSP	0	0	0	1
TP53TG3D	0	0	0	1
TP53TG3,TP53TC	0	0	0	1
TP53TG3,TP53TC	0	0	0	1
LOC283914	0	0	0	1
MIR548AE2	0	0	0	1
C16orf78	0	0	0	1
MMP2	0	0	0	1
SLC6A2	0	0	0	1
CES1P2	0	0	0	1
CES1P1	0	0	0	1

MIR3935	0	0	0	1
MT4	0	0	0	1
MT3	0	0	0	1
MIR138-2	0	0	0	1
CETP	0	0.0321758	inf	1
CCL22	0	0	0	1
CX3CL1	0	0	0	1
CCL17	0	0.0468402	inf	1
TEPP	0	0	0	1
LRRC36	0	0	0	1
CDH1	0	0.00447453	inf	1
MIR140	0	0	0	1
MIR1972-2	0	0	0	1
SNORD111B	0	0	0	1
SNORD111	0	0	0	1
CHST4	0	0	0	1
HPR	0	0	0	1
HTA	0	0	0	1
LOC100506172	0	0	0	1
CTRB1	0	0.0232507	inf	1
CNTNAP4	0	0	0	1
MIR4719	0	0	0	1
VAT1L	0	0	0	1
CLEC3A	0	0	0	1
DYNLRB2	0	0	0	1
BCMO1	0	0	0	1
MIR4720	0	0	0	1
HSD17B2	0	0.0174878	inf	1
MIR3182	0	0	0	1
ADAD2	0	0.00941343	inf	1
WFDC1	0	0	0	1
LOC400548	0	0	0	1
IRF8	0	0	0	1
LOC146513	0	0	0	1
MIR5189	0	0	0	1
TPSG1	0	0	0	1
TPSB2	0	0	0	1
LINC00254	0	0	0	1
HS3ST6	0	0	0	1
RPL3L	0	0	0	1
MIR1225	0	0	0	1
MIR3180-5	0	0	0	1
SNORD60	0	0	0	1
MIR3178	0	0	0	1
PRSS33	0	0	0	1
C16orf90	0	0	0	1
C16orf89	0	0	0	1
TMEM114	0	0	0	1
GRIN2A	0	0.00118265	inf	1

TNP2	0	0	0	1
PRM3	0	0	0	1
PRM2	0	0	0	1
PRM1	0	0	0	1
ABCC6P2	0	0	0	1
MIR3180-4	0	0	0	1
MIR3180-1	0	0	0	1
MIR3179-1	0	0	0	1
GPRC5B	0	0	0	1
GPR139	0	0	0	1
GP2	0	0	0	1
UMOD	0	0	0	1
PDILT	0	0	0	1
ZP2	0	0	0	1
IGSF6	0	0.0122409 inf		1
MIR548AA2	0	0	0	1
IL27	0	0	0	1
BOLA2B	0	0	0	1
LOC388242	0	0.0132551 inf		1
C16orf54	0	0.0100044 inf		1
BOLA2B	0	0	0	1
MIR4519	0	0	0	1
COX6A2	0	0	0	1
CSDAP1	0	0.00794275 inf		1
LOC390705	0	0	0	1
TP53TG3	0	0	0	1
LOC390705	0	0	0	1
RNU6-76	0	0	0	1
LOC146481	0	0	0	1
LOC100130700	0	0	0	1
ABCC12	0	0.00177151 inf		1
CBLN1	0	0	0	1
ZNF423	0	0	0	1
SNX20	0	0.0246248 inf		1
SALL1	0	0	0	1
C16orf97	0	0	0	1
LOC100505619	0	0	0	1
TOX3	0	0	0	1
LOC643714	0	0	0	1
LOC643802	0	0	0	1
IRX3	0	0	0	1
CES1	0	0	0	1
CES5A	0	0	0	1
LOC283856	0	0	0	1
DKFZP434H168	0	0	0	1
LOC644649	0	0	0	1
CDH8	0	0	0	1
LOC283867	0	0	0	1
CDH16	0	0	0	1

MIR328	0	0	0	1
AGRP	0	0.0267098	inf	1
DPEP3	0	0.00753152	inf	1
MIR1538	0	0	0	1
TAT	0	0.00782118	inf	1
SNORA70D	0	0	0	1
SNORD71	0	0	0	1
CTRB2	0	0	0	1
ADAMTS18	0	0	0	1
SDR42E1	0	0	0	1
KCNG4	0	0	0	1
FAM92B	0	0	0	1
MIR5093	0	0	0	1
MIR1910	0	0	0	1
LOC732275	0	0	0	1
CA5A	0	0	0	1
MIR4722	0	0	0	1
BHLHA9	0	0	0	1
OR1A2	0	0	0	1
OR1A1	0	0	0	1
OR1D4	0	0	0	1
OR3A4P	0	0	0	1
OR3A3	0	0	0	1
ASPA	0	0	0	1
TM4SF5	0	0	0	1
LOC100130950	0	0	0	1
WSCD1	0	0	0	1
MIR4520B	0	0	0	1
FBXO39	0	0	0	1
ALOX12P2	0	0.00466423	inf	1
TMEM95	0	0.01042	inf	1
ATP1B2	0	0.0135711	inf	1
RPL29P2	0	0	0	1
SCARNA21	0	2.52433	inf	1
GUCY2D	0	0	0	1
MIR4314	0	0	0	1
MIR4521	0	0	0	1
MIR3676	0	0	0	1
ARHGEF15	0	0	0	1
ODF4	0	0	0	1
GLP2R	0	0	0	1
TMEM220-AS1	0	0	0	1
SHISA6	0	0	0	1
DNAH9	0	0	0	1
MIR744	0	0	0	1
LINC00670	0	0	0	1
MYOCD	0	0	0	1
CDRT7	0	0	0	1
CDRT15P2	0	0	0	1

MEIS3P1	0	0.00322874	inf	1
MIR1288	0	0	0	1
SNORD49A	0	0	0	1
SNORD65	0	0	0	1
FAM106CP	0	0	0	1
SMCR9	0	0	0	1
EVPLL	0	0	0	1
LOC339240	0	0	0	1
KRT16P1	0	0.00918932	inf	1
LGALS9C	0	0	0	1
SLC47A1	0	0.00323601	inf	1
SNORA59B	0	0	0	1
CDRT15L2	0	0	0	1
FAM27L	0	0	0	1
FLJ36000	0	0	0	1
TBC1D3P5	0	0	0	1
PPY2	0	0.0277353	inf	1
MIR4723	0	0	0	1
SLC13A2	0	0	0	1
FOXN1	0	0	0	1
SNORD42B	0	0	0	1
SNORD42A	0	0	0	1
MIR451B	0	0	0	1
MIR423	0	0	0	1
TBC1D29	0	0	0	1
DPRXP4	0	0.0528006	inf	1
MIR193A	0	0	0	1
MIR4725	0	0	0	1
MIR365B	0	0	0	1
SPACA3	0	0	0	1
CCL2	0	0	0	1
CCL7	0	0	0	1
CCL11	0	0.0124635	inf	1
CCL8	0	0	0	1
CCL13	0	0	0	1
TMEM132E	0	0	0	1
SNORD7	0	0	0	1
C17orf50	0	0.0253391	inf	1
CCL18	0	0	0	1
CCL4	0	0.0482554	inf	1
CCL4L1	0	0	0	1
CCL4L2	0	0	0	1
MIR2909	0	0	0	1
MIR4726	0	0	0	1
MIR4727	0	0	0	1
PPP1R1B	0	0	0	1
PNMT	0	0	0	1
MIR4728	0	0	0	1
ZPBP2	0	0	0	1

LRRC3C	0	0	0	1
CSF3	0	0.0400456	inf	1
SNORD124	0	0	0	1
IGFBP4	0	0	0	1
KRTAP9-1	0	0	0	1
KRTAP9-2	0	0	0	1
KRTAP9-3	0	0	0	1
KRTAP9-8	0	0	0	1
KRTAP9-4	0	0	0	1
KRTAP9-9	0	0	0	1
LOC100505782	0	0	0	1
GAST	0	0	0	1
RAMP2	0	0	0	1
G6PC	0	0	0	1
MIR2117	0	0	0	1
C17orf105	0	0	0	1
SPPL2C	0	0	0	1
MAPT-IT1	0	0	0	1
STH	0	0	0	1
NSFP1	0	0	0	1
WNT9B	0	0	0	1
MIR5089	0	0	0	1
ITGB3	0	0	0	1
TBX21	0	0	0	1
B4GALNT2	0	0	0	1
FLJ40194	0	0	0	1
NGFR	0	0	0	1
SGCA	0	0	0	1
ABCC3	0	0	0	1
WFIKK2	0	0	0	1
C17orf112	0	0	0	1
KIF2B	0	0	0	1
NOG	0	0.0100702	inf	1
RNF126P1	0	0	0	1
OR4D1	0	0	0	1
MSX2P1	0	0.0123591	inf	1
OR4D2	0	0	0	1
MIR4729	0	0	0	1
MIR21	0	0	0	1
CA4	0	0	0	1
MIR548W	0	0	0	1
TCAM1P	0	0.0033407	inf	1
MIR634	0	0	0	1
CACNG5	0	0	0	1
CACNG4	0	0	0	1
CACNG1	0	0.0121964	inf	1
MIR4524B	0	0	0	1
MAP2K6	0	0	0	1
KCNJ16	0	0	0	1

KCNJ2	0	0	0	1
LOC400620	0	0	0	1
DNAI2	0	0	0	1
KIF19	0	0	0	1
GPR142	0	0	0	1
C17orf77	0	0	0	1
OTOP3	0	0	0	1
MIR3678	0	0	0	1
RNF157-AS1	0	0	0	1
SNORD1C	0	0	0	1
SNORD1B	0	0	0	1
SNORD1A	0	0	0	1
LOC100507351	0	0	0	1
C17orf99	0	0	0	1
TMEM235	0	0	0	1
ENPP7	0	0	0	1
MIR4730	0	0	0	1
MIR3065	0	0	0	1
AATK-AS1	0	0.00914302	inf	1
GCGR	0	0.0101167	inf	1
UTS2R	0	0	0	1
MIR3183	0	0	0	1
RTN4RL1	0	0	0	1
MIR132	0	0	0	1
MIR212	0	0	0	1
SNORD91B	0	0	0	1
SNORD91A	0	0	0	1
MIR1253	0	0	0	1
OR1D5	0	0	0	1
OR1D2	0	0	0	1
OR1G1	0	0	0	1
OR3A2	0	0	0	1
OR3A1	0	0	0	1
OR1E1	0	0	0	1
OR1E2	0	0	0	1
TRPV3	0	0	0	1
SLC52A1	0	0	0	1
ZNF594	0	0	0	1
SCIMP	0	0	0	1
MIR4520A	0	0	0	1
TEKT1	0	0	0	1
MIR195	0	0	0	1
MIR497	0	0	0	1
CLEC10A	0	0	0	1
ASGR2	0	0	0	1
MIR324	0	0	0	1
CCDC42	0	0	0	1
SPDYE4	0	0	0	1
MFSD6L	0	0	0	1

PIK3R6	0	0	0	1
DHRS7C	0	0	0	1
RCVRN	0	0	0	1
MYH13	0	0	0	1
MYH8	0	0	0	1
MYH4	0	0	0	1
MYH1	0	0	0	1
MYH2	0	0	0	1
LINC00675	0	0.00829522	inf	1
PIRT	0	0	0	1
HS3ST3A1	0	0	0	1
CDRT15	0	0.136668	inf	1
MIR4731	0	0	0	1
ZNF287	0	0	0	1
TNFRSF13B	0	0	0	1
MIR33B	0	0	0	1
MIR1180	0	0	0	1
ALDH3A1	0	0	0	1
LGALS9B	0	0	0	1
KRT16P3	0	0	0	1
CCDC144NL	0	0	0	1
MIR4522	0	0	0	1
SEBOX	0	0.0560273	inf	1
MIR451A	0	0	0	1
MIR144	0	0	0	1
MIR4732	0	0	0	1
MIR3184	0	0	0	1
TMIGD1	0	0	0	1
MIR4733	0	0	0	1
ASIC2	0	0	0	1
AA06	0	0	0	1
CCL1	0	0	0	1
C17orf102	0	0	0	1
SLFN11	0	0	0	1
SLFN12	0	0	0	1
SLFN12L	0	0	0	1
MMP28	0	0	0	1
C17orf66	0	0.005208	inf	1
LYZL6	0	0	0	1
CCL16	0	0.00781024	inf	1
CCL14,CCL15	0	0	0	1
CCL23	0	0	0	1
TBC1D3B	0	0	0	1
CCL3L1	0	0	0	1
TBC1D3G	0	0	0	1
LOC284100	0	0.00409969	inf	1
TBC1D3	0	0	0	1
MIR4734	0	0	0	1
FBXO47	0	0	0	1

ARL5C	0	0	0	1
KRT24	0	0	0	1
KRT25	0	0	0	1
KRT26	0	0	0	1
KRT27	0	0	0	1
KRT28	0	0	0	1
KRT12	0	0	0	1
KRT20	0	0.00581507	inf	1
KRT23	0	0.00419387	inf	1
KRT39	0	0	0	1
KRT40	0	0	0	1
KRTAP3-1	0	0	0	1
KRTAP1-5	0	0	0	1
KRTAP1-4	0	0	0	1
KRTAP1-3	0	0	0	1
KRTAP1-1	0	0	0	1
KRTAP2-4	0	0.0576906	inf	1
KRTAP4-5	0	0	0	1
KRTAP4-4	0	0	0	1
KRTAP4-3	0	0	0	1
KRTAP4-2	0	0	0	1
KRTAP4-1	0	0	0	1
KRTAP29-1	0	0	0	1
KRTAP16-1	0	0	0	1
KRTAP17-1	0	0	0	1
KRT33A	0	0	0	1
KRT33B	0	0	0	1
KRT31	0	0	0	1
KRT37	0	0	0	1
KRT38	0	0	0	1
KRT32	0	0	0	1
KRT35	0	0	0	1
KRT36	0	0	0	1
KRT13	0	0	0	1
LOC147093	0	0	0	1
KRT9	0	0	0	1
KRT14	0	0.0102119	inf	1
HAP1	0	0	0	1
KCNH4	0	0	0	1
HCRT	0	0.0790126	inf	1
LINC00671	0	0.022424	inf	1
MEOX1	0	0	0	1
PPY	0	0.090252	inf	1
C1QL1	0	0	0	1
LOC644172	0	0	0	1
MAPT-AS1	0	0	0	1
MIR152	0	0	0	1
SKAP1	0	0	0	1
MIR1203	0	0	0	1

HOXB1	0	0	0	1
MIR196A1	0	0	0	1
PRAC	0	0	0	1
MIR3185	0	0	0	1
GIP	0	0	0	1
GNGT2	0	0	0	1
PHOSPHO1	0	0	0	1
HILS1	0	0	0	1
CA10	0	0	0	1
TMEM100	0	0	0	1
BZRAP1	0	0	0	1
MIR142	0	0	0	1
MIR4736	0	0	0	1
MIR454	0	0	0	1
MIR301A	0	0	0	1
NACA2	0	0	0	1
MARCH10	0	0	0	1
CSH2	0	0	0	1
GH2	0	0	0	1
CSH1	0	0	0	1
CSHL1	0	0	0	1
GH1	0	0	0	1
PECAM1	0	0.00226604	inf	1
APOH	0	0	0	1
MIR635	0	0	0	1
ABCA8	0	0	0	1
ABCA6	0	0.00145613	inf	1
MIR4524A	0	0	0	1
KCNJ2-AS1	0	0	0	1
CPSF4L	0	0.0613221	inf	1
LINC00469	0	0	0	1
CD300LB	0	0	0	1
CD300LD	0	0	0	1
CD300E	0	0	0	1
CD300LF	0	0	0	1
FADS6	0	0	0	1
MIR4738	0	0	0	1
ST6GALNAC1	0	0.012292	inf	1
MIR4316	0	0	0	1
FLJ45079	0	0	0	1
LOC100507410	0	0	0	1
MIR4739	0	0	0	1
MIR657	0	0	0	1
MIR338	0	0	0	1
MIR1250	0	0	0	1
TMEM105	0	0	0	1
MIR4740	0	0	0	1
MIR3186	0	0	0	1
CETN1	0	0	0	1

ADCYAP1	0	0	0	1
DLGAP1-AS3	0	0	0	1
DLGAP1-AS5	0	0	0	1
LOC645355	0	0	0	1
MIR3976	0	0	0	1
LOC100130480	0	0	0	1
ARHGAP28	0	0	0	1
LRRC30	0	0	0	1
RAB31	0	0	0	1
TXNDC2	0	0	0	1
APCDD1	0	0	0	1
C18orf61	0	0	0	1
CIDEA	0	0	0	1
MIR5190	0	0	0	1
MIR4526	0	0	0	1
MC5R	0	0	0	1
ANKRD30B	0	0	0	1
MIR3156-2	0	0	0	1
MIR320C1	0	0	0	1
LAMA3	0	0	0	1
MIR320C2	0	0	0	1
LOC729950	0	0	0	1
PSMA8	0	0	0	1
MIR302F	0	0	0	1
DSG1	0	0	0	1
DSG4	0	0	0	1
TTR	0	0	0	1
WBP11P1	0	0	0	1
ASXL3	0	0	0	1
DTNA	0	0	0	1
MIR3975	0	0	0	1
MIR4318	0	0	0	1
MIR5583-1	0	0	0	1
MIR4743	0	0	0	1
MIR1539	0	0	0	1
MAPK4	0	0	0	1
LOC100287225	0	0	0	1
DCC	0	0	0	1
DYNAP	0	0	0	1
RAB27B	0	0	0	1
MIR4529	0	0	0	1
BOD1L2	0	0	0	1
MIR122	0	0	0	1
ZNF532	0	0	0	1
OACYLP	0	0	0	1
GRP	0	0	0	1
SERPIN5	0	0	0	1
SERPIN12	0	0	0	1
SERPIN13	0	0	0	1

SERPINB11	0	0	0	1
SERPINB10	0	0	0	1
LOC284294	0	0	0	1
CDH7	0	0	0	1
MIR5011	0	0	0	1
LOC643542	0	0	0	1
DOK6	0	0	0	1
LOC339298	0	0	0	1
GALR1	0	0	0	1
SALL3	0	0	0	1
KCNG2	0	0.0394105 inf		1
COLEC12	0	0	0	1
EPB41L3	0	0	0	1
TMEM200C	0	0	0	1
L3MBTL4	0	0	0	1
MIR4317	0	0	0	1
LINC00668	0	0.00683076 inf		1
LOC100192426	0	0	0	1
PIEZO2	0	0	0	1
LOC100288122	0	0	0	1
CXADRP3	0	0	0	1
POTEC	0	0	0	1
LOC644669	0	0	0	1
MIR133A1	0	0	0	1
MIR1-2	0	0	0	1
CTAGE1	0	0	0	1
ANKRD29	0	0	0	1
LOC728606	0	0	0	1
AQP4	0	0	0	1
CHST9	0	0	0	1
CDH2	0	0.00202038 inf		1
DSC2	0	0	0	1
DSC1	0	0	0	1
CCDC178	0	0	0	1
NOL4	0	0	0	1
ZNF396	0	0	0	1
MIR187	0	0	0	1
CELF4	0	0	0	1
MIR5583-2	0	0	0	1
KC6	0	0	0	1
RIT2	0	0	0	1
SYT4	0	0	0	1
MIR4319	0	0	0	1
LOXHD1	0	0	0	1
TCEB3CL2	0	0	0	1
TCEB3CL2	0	0	0	1
TCEB3C	0	0	0	1
TCEB3B	0	0	0	1
MIR4744	0	0	0	1

MIR4320	0	0	0	1
STARD6	0	0	0	1
CCDC68	0	0	0	1
TCF4	0	0.00112083	inf	1
LOC100505474	0	0	0	1
LINC-ROR	0	0	0	1
MIR3591	0	0	0	1
ALPK2	0	0	0	1
RAX	0	0	0	1
CPLX4	0	0	0	1
MC4R	0	0	0	1
SERPINB4	0	0	0	1
SERPINB3	0	0	0	1
LINC00305	0	0	0	1
LOC400654	0	0	0	1
CDH19	0	0	0	1
LOC100505776	0	0	0	1
CBLN2	0	0	0	1
NETO1	0	0	0	1
FAM69C	0	0	0	1
C18orf62	0	0	0	1
OR4F17	0	0	0	1
FGF22	0	0	0	1
PALM	0	0.00756359	inf	1
MIR4745	0	0	0	1
MIR3187	0	0	0	1
KISS1R	0	0	0	1
ONECUT3	0	0	0	1
NMRK2	0	0	0	1
MIR4746	0	0	0	1
MIR7-3	0	0	0	1
MIR4747	0	0	0	1
ZNRF4	0	0	0	1
CATSPERD	0	0.00458401	inf	1
MBD3L5	0	0	0	1
MBD3L2	0	0	0	1
RETN	0	0	0	1
CLEC4M	0	0	0	1
CCL25	0	0.0344952	inf	1
OR2Z1	0	0	0	1
MBD3L1	0	0	0	1
OR1M1	0	0	0	1
OR7E24	0	0	0	1
C3P1	0	0	0	1
SNORD105	0	0	0	1
MIR4322	0	0	0	1
MIR1238	0	0	0	1
MIR638	0	0	0	1
MIR4748	0	0	0	1

TSPAN16	0	0	0	1
BEST2	0	0.024569	inf	1
MIR181C	0	0	0	1
MIR181D	0	0	0	1
RLN3	0	0	0	1
CLEC17A	0	0	0	1
OR7C2	0	0	0	1
CCDC105	0	0	0	1
OR111	0	0	0	1
MIR1470	0	0	0	1
CYP4F22	0	0	0	1
CYP4F8	0	0.00824173	inf	1
CYP4F12	0	0	0	1
OR10H2	0	0	0	1
OR10H3	0	0	0	1
OR10H5	0	0	0	1
OR10H4	0	0	0	1
LINC00661	0	0	0	1
FLJ25328	0	0	0	1
F2RL3	0	0	0	1
B3GNT3	0	0	0	1
MIR3189	0	0	0	1
NCAN	0	0	0	1
ZNF257	0	0	0	1
ZNF729	0	0	0	1
LOC440518	0	0	0	1
ZNF726	0	0	0	1
LOC148145	0	0	0	1
LOC100505835	0	0	0	1
VSTM2B	0	0	0	1
ZNF536	0	0	0	1
DKFZp566F0947	0	0	0	1
THEG5	0	0	0	1
CHST8	0	0.012155	inf	1
SCGB2B3P	0	0	0	1
HPN	0	0.00948183	inf	1
FXD3	0	0	0	1
MAG	0	0	0	1
FFAR1	0	0	0	1
FFAR3	0	0.00872802	inf	1
LOC100128682	0	0	0	1
FFAR2	0	0.0133832	inf	1
KIRREL2	0	0	0	1
LOC100134317	0	0.0308941	inf	1
LOC644189	0	0.00938216	inf	1
LGALS7B	0	0	0	1
NCCRP1	0	0	0	1
IFNL2	0	0	0	1
IFNL1	0	0	0	1

SELV	0	0	0	1
LGALS13	0	0	0	1
LOC100129935	0	0	0	1
LGALS16	0	0	0	1
LGALS17A	0	0	0	1
LGALS14	0	0	0	1
LEUTX	0	0	0	1
CYP2B7P1	0	0	0	1
CYP2B6	0	0	0	1
CYP2A13	0	0	0	1
CYP2S1	0	0	0	1
C19orf69	0	0	0	1
CEACAM21	0	0.0094769 inf		1
CEACAM5	0	0	0	1
CEACAM3	0	0	0	1
DMRTC2	0	0	0	1
LOC100289650	0	0	0	1
PRG1	0	0	0	1
CD177	0	0	0	1
CEACAM16	0	0	0	1
CBLC	0	0	0	1
APOC2,APOC4	0	0.0212478 inf		1
MIR642A	0	0	0	1
FOXA3	0	0.00779363 inf		1
MIR769	0	0	0	1
DKFZp434J0226	0	0	0	1
IGFL1	0	0	0	1
MIR3190	0	0	0	1
SNAR-A13	0	0	0	1
SNAR-C2	0	0	0	1
SNAR-A2	0	0	0	1
SNAR-A8	0	0	0	1
SNAR-C5	0	0	0	1
SNAR-A2	0	0	0	1
SNAR-C4	0	0	0	1
SNAR-A13	0	0	0	1
SNAR-C3	0	0	0	1
SNAR-C5	0	0	0	1
ELSPBP1	0	0	0	1
FGF21	0	0.0217657 inf		1
CCDC155	0	0	0	1
SNORD34	0	0	0	1
MIR5088	0	0	0	1
MIR4749	0	0	0	1
MIR4750	0	0	0	1
KLK3	0	0	0	1
SIGLEC7	0	0	0	1
SIGLEC17P	0	0	0	1
SIGLECL1	0	0	0	1

CEACAM18	0	0	0	1
MIR99B	0	0	0	1
MIRLET7E	0	0	0	1
MIR125A	0	0	0	1
FPR2	0	0	0	1
MIR643	0	0	0	1
ZNF534	0	0	0	1
ERVV-2	0	0	0	1
FAM90A27P	0	0	0	1
DPRX	0	0	0	1
MIR512-2	0	0	0	1
MIR512-2	0	0	0	1
MIR1323	0	0	0	1
MIR498	0	0	0	1
MIR520E	0	0	0	1
MIR515-2	0	0	0	1
MIR519E	0	0	0	1
MIR520F	0	0	0	1
MIR515-1	0	0	0	1
MIR519C	0	0	0	1
MIR1283-1	0	0	0	1
MIR520A	0	0	0	1
MIR526B	0	0	0	1
MIR519B	0	0	0	1
MIR525	0	0	0	1
MIR523	0	0	0	1
MIR518F	0	0	0	1
MIR520B	0	0	0	1
MIR518B	0	0	0	1
MIR526A1	0	0	0	1
MIR520C	0	0	0	1
MIR518C	0	0	0	1
MIR524	0	0	0	1
MIR517A	0	0	0	1
MIR519D	0	0	0	1
MIR521-2	0	0	0	1
MIR520D	0	0	0	1
MIR517B	0	0	0	1
MIR520G	0	0	0	1
MIR516B2	0	0	0	1
MIR526A2	0	0	0	1
MIR518E	0	0	0	1
MIR518A1	0	0	0	1
MIR518D	0	0	0	1
MIR516B1	0	0	0	1
MIR518A2	0	0	0	1
MIR517C	0	0	0	1
MIR520H	0	0	0	1
MIR521-1	0	0	0	1

MIR522	0	0	0	1
MIR519A1	0	0	0	1
MIR527	0	0	0	1
MIR516A1	0	0	0	1
MIR1283-2	0	0	0	1
MIR516A2	0	0	0	1
MIR519A2	0	0	0	1
MIR371A	0	0	0	1
MIR372	0	0	0	1
MIR373	0	0	0	1
MIR4752	0	0	0	1
KIR3DX1	0	0	0	1
LILRA1	0	0	0	1
LILRB4	0	0	0	1
LILRP2	0	0	0	1
KIR3DL3	0	0	0	1
KIR2DL3	0	0	0	1
KIR2DL1	0	0	0	1
KIR2DL4,LOC100	0	0	0	1
KIR3DL1	0	0	0	1
KIR2DS4	0	0	0	1
KIR3DL2	0	0	0	1
NCR1	0	0	0	1
NLRP2	0	0.0036672	inf	1
NLRP5	0	0	0	1
GALP	0	0	0	1
LOC100128252	0	0	0	1
ZNF471	0	0	0	1
ZNF470	0	0	0	1
PEG3-AS1	0	0	0	1
MIMT1	0	0	0	1
USP29	0	0	0	1
ZNF530	0	0	0	1
ZNF134	0	0	0	1
ZSCAN4	0	0	0	1
LOC100128398	0	0	0	1
ZSCAN1	0	0	0	1
ZNF135	0	0	0	1
LOC646862	0	0	0	1
FAM138A	0	0	0	1
THEG	0	0.0127974	inf	1
LPPR3	0	0.0157785	inf	1
MIR1227	0	0	0	1
RAX2	0	0.00997322	inf	1
SNORD37	0	0	0	1
ARRDC5	0	0	0	1
PTPRS	0	0	0	1
MBD3L4	0	0	0	1
MBD3L3	0	0	0	1

CLEC4G	0	0	0	1
MIR4999	0	0	0	1
ADAMTS10	0	0	0	1
ACTL9	0	0	0	1
MUC16	0	0.000368716 inf		1
OR7G2	0	0	0	1
OR7G1	0	0	0	1
OR7G3	0	0	0	1
OR7D4	0	0	0	1
ZNF812	0	0	0	1
COL5A3	0	0.00509128 inf		1
MIR199A1	0	0	0	1
SNORD41	0	0	0	1
CACNA1A	0	0	0	1
MIR27A	0	0	0	1
MIR23A	0	0	0	1
EMR3	0	0	0	1
OR7C1	0	0	0	1
OR7A5	0	0	0	1
OR7A10	0	0	0	1
OR7A17	0	0	0	1
SLC1A6	0	0.00386133 inf		1
RASAL3	0	0	0	1
PGLYRP2	0	0.0340896 inf		1
CYP4F24P	0	0	0	1
CIB3	0	0	0	1
CPAMD8	0	0	0	1
IL12RB1	0	0	0	1
LOC729966	0	0	0	1
COMP	0	0	0	1
HAPLN4	0	0	0	1
ZNF682	0	0	0	1
MIR1270-2	0	0	0	1
ZNF826P	0	0	0	1
MIR1270-2	0	0	0	1
ZNF626	0	0.00148049 inf		1
ZNF676	0	0	0	1
ZNF98	0	0	0	1
ZNF728	0	0	0	1
LOC284395	0	0	0	1
TSHZ3	0	0	0	1
LOC400685	0	0	0	1
LOC100652909	0	0	0	1
LOC100128675	0	0	0	1
ATP4A	0	0	0	1
PRODH2	0	0	0	1
TYROBP	0	0	0	1
LOC100631378	0	0	0	1
PPP1R14A	0	0	0	1

LGALS7	0	0	0	1
SYCN	0	0	0	1
IFNL3	0	0	0	1
IFNL4	0	0	0	1
LRFN1	0	0.0202559	inf	1
MIR4530	0	0	0	1
CLC	0	0	0	1
MIR641	0	0	0	1
CYP2A7	0	0	0	1
CEACAM4	0	0	0	1
CEACAM7	0	0	0	1
MIR4323	0	0	0	1
CXCL17	0	0	0	1
PSG10P	0	0	0	1
PSG6	0	0	0	1
PSG7	0	0	0	1
PSG2	0	0	0	1
PSG4	0	0	0	1
LOC284344	0	0	0	1
CEACAM20	0	0	0	1
MIR4531	0	0	0	1
MIR330	0	0	0	1
MIR642B	0	0	0	1
NANOS2	0	0	0	1
NOVA2	0	0	0	1
IGFL4	0	0	0	1
IGFL3	0	0	0	1
RNU6-66	0	0	0	1
CCDC8	0	0.00860045	inf	1
PNMAL1	0	0	0	1
PNMAL2	0	0	0	1
PTGIR	0	0	0	1
MIR320E	0	0	0	1
SNAR-E	0	3.27805	inf	1
MIR3191	0	0	0	1
ZNF541	0	0	0	1
TPRX1	0	0	0	1
SULT2A1	0	0.00426634	inf	1
BSPH1	0	0	0	1
SNAR-G2	0	0	0	1
MIR4324	0	0	0	1
MIR150	0	0	0	1
TSKS	0	0	0	1
SNAR-A8	0	0	0	1
SNAR-A4	0	0	0	1
SNAR-A10	0	0	0	1
SNAR-A7	0	0	0	1
SNAR-A14	0	0	0	1
SNAR-A3	0	0	0	1

SNAR-A6	0	0	0	1
SNAR-A10	0	0	0	1
SNAR-A8	0	0	0	1
SNAR-B1	0	0	0	1
SNAR-B2	0	0	0	1
SNAR-D	0	0	0	1
IZUMO2	0	0	0	1
KCNC3	0	0	0	1
NAPSB	0	0	0	1
SNORD88B	0	11.5706	inf	1
SNORD88C	0	0	0	1
KLK5	0	0	0	1
KLK7	0	0	0	1
KLK8	0	0	0	1
KLK9	0	0	0	1
KLK12	0	0	0	1
KLK13	0	0	0	1
NKG7	0	0	0	1
LIM2	0	0	0	1
SIGLEC8	0	0	0	1
SIGLEC6	0	0	0	1
SIGLEC5	0	0	0	1
SIGLEC14	0	0	0	1
FPR1	0	0	0	1
ZNF415	0	0	0	1
VN1R4	0	0	0	1
BIRC8	0	0	0	1
LOC284379	0	0.0109752	inf	1
MIR371B	0	0	0	1
TARM1	0	0	0	1
LILRB5	0	0	0	1
LILRB2	0	0	0	1
LILRA3	0	0	0	1
LILRA5	0	0.0108086	inf	1
LILRA4	0	0	0	1
NLRP7	0	0	0	1
RNU6-64	0	0	0	1
FAM71E2	0	0	0	1
SBK2	0	0	0	1
SGK110	0	0	0	1
NLRP13	0	0	0	1
PEG3,ZIM2	0	0	0	1
ZIM3	0	0	0	1
ZNF418	0	0	0	1
ZNF256	0	0	0	1
C19orf18	0	0	0	1
ZNF606	0	0.00212755	inf	1
MIR4754	0	0	0	1
TPO	0	0.00486167	inf	1

LOC730811	0	0	0	1
LOC150622	0	0	0	1
LOC400940	0	0	0	1
KCNF1	0	0	0	1
MIR3125	0	0	0	1
MYCN	0	0	0	1
MSGN1	0	0	0	1
KCNS3	0	0	0	1
MIR4757	0	0	0	1
FLJ12334	0	0	0	1
GDF7	0	0	0	1
MFSD2B	0	0.0101108 inf		1
C2orf70	0	0	0	1
TCF23	0	0	0	1
DNAJC5G	0	0.0120349 inf		1
MIR4263	0	0	0	1
SNORD92	0	0	0	1
SNORD53	0	0	0	1
EHD3	0	0	0	1
MIR558	0	0	0	1
MIR4765	0	0	0	1
LINC00486	0	0	0	1
LOC100271832	0	0	0	1
VIT	0	0	0	1
LOC388942	0	0	0	1
ABCG8	0	0.00558702 inf		1
MIR559	0	0	0	1
CCDC85A	0	0	0	1
FLJ30838	0	0	0	1
MIR5192	0	0	0	1
MIR4434	0	0	0	1
LOC339807	0	0	0	1
PLEK	0	0	0	1
PROKR1	0	0	0	1
GKN1	0	0.0115529 inf		1
ANTXR1	0	0	0	1
MIR3126	0	0	0	1
OR7E91P	0	0	0	1
EMX1	0	0	0	1
NOTO	0	0.015242 inf		1
C2orf78	0	0	0	1
MIR5000	0	0	0	1
REG3G	0	0	0	1
REG1A	0	0	0	1
LOC1720	0	0	0	1
FUNDC2P2	0	0	0	1
RGPD1,RGPD2	0	0	0	1
MIR4435-1	0	0	0	1
SMYD1	0	0	0	1

THNSL2	0	0	0	1
MIR4436A	0	0	0	1
ACTR3BP2	0	0	0	1
MAL	0	0	0	1
TRIM43	0	0	0	1
ITPRIPL1	0	0	0	1
MIR3127	0	0	0	1
VWA3B	0	0	0	1
CNGA3	0	0	0	1
NMS	0	0	0	1
MIR5696	0	0	0	1
IL1R2	0	0	0	1
IL1RL2	0	0	0	1
MIR4772	0	0	0	1
LOC150568	0	0	0	1
POU3F3	0	0	0	1
GPR45	0	0	0	1
PLGLA	0	0	0	1
SLC5A7	0	0	0	1
SULT1C3	0	0	0	1
SULT1C2P1	0	0	0	1
SULT1C4	0	0.00622948	inf	1
LIMS3L	0	0	0	1
LOC100507334	0	0	0	1
MIR4436B2	0	0	0	1
ACOXL	0	0.0048494	inf	1
IL36G	0	0	0	1
IL36A	0	0	0	1
IL36RN	0	0	0	1
IL1F10	0	0	0	1
IL1RN	0	0	0	1
FAM138B	0	0	0	1
DPP10	0	0	0	1
MARCO	0	0	0	1
PCDP1	0	0	0	1
GLI2	0	0	0	1
CNTNAP5	0	0	0	1
GYPC	0	0.0137554	inf	1
GPR17	0	0	0	1
RAB6C	0	0.00310656	inf	1
CFC1B	0	0	0	1
LOC646743,TISP*	0	0	0	1
CYP4F30P	0	0	0	1
GPR148	0	0	0	1
POTEE	0	0	0	1
LOC389043	0	0	0	1
RNU6-81	0	0	0	1
MIR3679	0	0	0	1
ACMSD	0	0	0	1

MIR128-1	0	0	0	1
LOC100507600	0	0	0	1
THSD7B	0	0	0	1
HNMT	0	0.0694078	inf	1
KYNU	0	0	0	1
ARHGAP15	0	0	0	1
ZEB2-AS1	0	0	0	1
DKFZp686O1327	0	0	0	1
KIF5C	0	0	0	1
LYPD6B	0	0	0	1
TNFAIP6	0	0	0	1
MIR4773-1	0	0	0	1
GALNT13	0	0	0	1
KCNJ3	0	0	0	1
GALNT5	0	0	0	1
UPP2	0	0	0	1
CCDC148-AS1	0	0	0	1
DAPL1	0	0	0	1
SLC4A10	0	0	0	1
CSRNP3	0	0	0	1
LOC100506134	0	0.0192952	inf	1
XIRP2	0	0	0	1
MIR4774	0	0	0	1
G6PC2	0	0	0	1
DHRS9	0	0	0	1
KLHL41	0	0.0119253	inf	1
MYO3B	0	0	0	1
LOC285084	0	0	0	1
SP9	0	0	0	1
HOXD13	0	0.00601576	inf	1
HOXD12	0	0	0	1
HOXD10	0	0	0	1
MIR10B	0	0	0	1
OSBPL6	0	0	0	1
ITGA4	0	0	0	1
PPP1R1C	0	0.00261394	inf	1
ZNF804A	0	0	0	1
MIR561	0	0	0	1
COL3A1	0	0	0	1
MIR1245A	0	0	0	1
PCGEM1	0	0	0	1
PLCL1	0	0	0	1
AOX2P	0	0	0	1
CDK15	0	0	0	1
SNORD70	0	0	0	1
SNORD11B	0	0	0	1
SNORD11	0	0	0	1
CD28	0	0	0	1
CTLA4	0	0	0	1

ICOS	0	0	0	1
SNORD51	0	0	0	1
ADAM23	0	0	0	1
LOC200726	0	0	0	1
MIR3130-2	0	0	0	1
LOC100507443	0	0	0	1
PTH2R	0	0	0	1
UNC80	0	0	0	1
CPS1-IT1	0	0	0	1
VWC2L	0	0	0	1
VWC2L-IT1	0	0	0	1
MIR26B	0	0	0	1
VIL1	0	0	0	1
WNT6	0	0	0	1
CDK5R2	0	0	0	1
LINC00608	0	0	0	1
LOC100129175	0	0	0	1
DES	0	0	0	1
CCDC140	0	0	0	1
MOGAT1	0	0	0	1
NYAP2	0	0	0	1
MIR548AR	0	0	0	1
LOC646736	0	0	0	1
COL4A3	0	0	0	1
CCL20	0	0	0	1
LOC151484	0	0	0	1
SPATA3	0	0	0	1
MIR4777	0	0	0	1
C2orf57	0	0	0	1
ALPP	0	0	0	1
ALPPL2	0	0.00744973	inf	1
ALPI	0	0	0	1
CHRND	0	0	0	1
NEU2	0	0	0	1
UGT1A1,UGT1A1	0	0	0	1
TRPM8	0	0	0	1
SPP2	0	0	0	1
CXCR7	0	0	0	1
MLPH	0	0	0	1
PRLH	0	0	0	1
LOC643387	0	0	0	1
TWIST2	0	0	0	1
MIR4269	0	0	0	1
LOC150935	0	0	0	1
MIR149	0	0	0	1
AQP12A	0	0	0	1
AGXT	0	0	0	1
CXXC11	0	0	0	1
LOC339822	0	0	0	1

PXDN	0	0	0	1
MYT1L	0	0	0	1
LOC100505964	0	0	0	1
LOC727982	0	0	0	1
LINC00487	0	0	0	1
LOC339788	0	0	0	1
LINC00299	0	0	0	1
CYS1	0	0	0	1
MIR4261	0	0	0	1
FLJ33534	0	0	0	1
MIR4429	0	0	0	1
NTSR2	0	0	0	1
MIR4262	0	0	0	1
LOC100506474	0	0	0	1
MYCNOS	0	0	0	1
RAD51AP2	0	0	0	1
OSR1	0	0	0	1
APOB	0	0.000685826	inf	1
POMC	0	0	0	1
MIR1301	0	0	0	1
C2orf53	0	0	0	1
SLC30A3	0	0.00904065	inf	1
C2orf71	0	0	0	1
ALK	0	0	0	1
CAPN13	0	0	0	1
GALNT14	0	0	0	1
CAPN14	0	0	0	1
SRD5A2	0	0	0	1
SULT6B1	0	0	0	1
CDKL4	0	0	0	1
SLC8A1	0	0	0	1
C2orf91	0	0	0	1
KCNG3	0	0	0	1
OXER1	0	0.00929951	inf	1
HAAO	0	0	0	1
LOC728819	0	0	0	1
ABCG5	0	0	0	1
MIR548AD	0	0	0	1
SIX2	0	0	0	1
UNQ6975	0	0	0	1
C2orf61	0	0	0	1
KCNK12	0	0	0	1
LHCGR	0	0	0	1
FSHR	0	0	0	1
MIR3682	0	0	0	1
TSPYL6	0	0	0	1
MIR217	0	0	0	1
MIR216A	0	0	0	1
MIR216B	0	0	0	1

MIR4432	0	0	0	1
FLJ16341	0	0	0	1
SNORA70B	0	0	0	1
DBIL5P2	0	0.00478361	inf	1
LINC00309	0	0	0	1
MIR4778	0	0	0	1
MEIS1-AS3	0	0	0	1
LOC644838	0	0	0	1
CNRIP1	0	0	0	1
BMP10	0	0	0	1
GKN2	0	0	0	1
SNORA36C	0	0	0	1
FIGLA	0	0	0	1
CLEC4F	0	0	0	1
CD207	0	0	0	1
EGR4	0	0	0	1
NAT8	0	0	0	1
NAT8B	0	0	0	1
EVA1A	0	0	0	1
LRRTM4	0	0	0	1
SNAR-H	0	0	0	1
REG1B	0	0.0179186	inf	1
REG1P	0	0	0	1
MIR4264	0	0	0	1
LRRTM1	0	0	0	1
MIR4779	0	0	0	1
CD8B	0	0	0	1
MIR4780	0	0	0	1
TRIM43B	0	0	0	1
CHST10	0	0	0	1
CREG2	0	0	0	1
RFX8	0	0	0	1
LOC100287010	0	0	0	1
LOC284998	0	0	0	1
LOC100506421	0	0	0	1
LOC285000	0	0	0	1
LOC729121	0	0	0	1
MIR4265	0	0	0	1
MIR4266	0	0	0	1
MIR4267	0	0	0	1
MIR4436B1	0	0	0	1
LIMS3	0	0	0	1
RGPD5,RGPD6	0	0	0	1
MIR4435-1	0	0	0	1
IL1B	0	0	0	1
IL36B	0	0	0	1
MIR4782	0	0	0	1
LOC389023	0	0	0	1
SCTR	0	0	0	1

LOC84931	0	0	0	1
CYP27C1	0	0	0	1
MIR4783	0	0	0	1
LOC389033	0	0	0	1
LOC100131320	0	0	0	1
LOC440905	0	0.00217293	inf	1
POTEF	0	0	0	1
LOC100216479	0	0.01104	inf	1
LOC646743,TISP-	0	0	0	1
CFC1,CFC1B	0	0	0	1
LOC401010	0	0	0	1
MIR4784	0	0	0	1
C2orf27B	0	0	0	1
NCKAP5	0	0	0	1
MAP3K19	0	0	0	1
CXCR4	0	0	0	1
NXPH2	0	0	0	1
LRP1B	0	0	0	1
ZEB2	0	0	0	1
RPRM	0	0	0	1
ERMN	0	0	0	1
CYTIP	0	0	0	1
PLA2R1	0	0	0	1
ITGB6	0	0	0	1
MIR4785	0	0	0	1
DPP4	0	0	0	1
GCG	0	0	0	1
KCNH7	0	0	0	1
FIGN	0	0	0	1
GRB14	0	0	0	1
SNORA70F	0	0	0	1
SLC38A11	0	0	0	1
SCN3A	0	0	0	1
SCN1A	0	0	0	1
SCN9A	0	0	0	1
SCN7A	0	0	0	1
ABCB11	0	0	0	1
LRP2	0	0.000598325	inf	1
CHRNA1	0	0	0	1
MIR933	0	0	0	1
EVX2	0	0	0	1
MIR1246	0	0	0	1
MIR3128	0	0	0	1
MIR1258	0	0	0	1
MIR4437	0	0	0	1
NEUROD1	0	0	0	1
PDE1A	0	0.00771891	inf	1
ZSWIM2	0	0	0	1
DIRC1	0	0	0	1

MIR1245B	0	0	0	1
MIR3129	0	0	0	1
SLC40A1	0	0	0	1
SDPR	0	0	0	1
TMEFF2	0	0	0	1
CFLAR-AS1	0	0	0	1
DYTN	0	0	0	1
MIR2355	0	0	0	1
CRYGD	0	0	0	1
CRYGC	0	0	0	1
CRYGB	0	0	0	1
CRYGA	0	0	0	1
C2orf80	0	0	0	1
ACADL	0	0	0	1
MYL1	0	0	0	1
ERBB4	0	0	0	1
MIR548F2	0	0	0	1
MIR4776-2	0	0	0	1
IGFBP5	0	0.00206183	inf	1
TNP1	0	0	0	1
CXCR2P1	0	0	0	1
CXCR1	0	0	0	1
PRKAG3	0	0	0	1
FEV	0	0	0	1
CRYBA2	0	0	0	1
MIR375	0	0	0	1
MIR3131	0	0	0	1
MIR153-1	0	0	0	1
RESP18	0	0	0	1
MIR3132	0	0	0	1
MIR4268	0	0	0	1
PAX3	0	0	0	1
SCG2	0	0	0	1
DOCK10	0	0.00110077	inf	1
MIR4439	0	0	0	1
MIR5702	0	0	0	1
C2orf83	0	0	0	1
SPHKAP	0	0	0	1
PID1	0	0	0	1
DNER	0	0	0	1
SNORD20	0	0	0	1
SNORD82	0	0	0	1
NMUR1	0	0	0	1
MIR1471	0	0	0	1
NPPC	0	0	0	1
ECEL1P2	0	0	0	1
ECEL1	0	0	0	1
DNAJB3	0	0	0	1
LOC100286922	0	0	0	1

GBX2	0	0	0	1
IQCA1	0	0	0	1
LOC1511174	0	0	0	1
FLJ43879	0	0	0	1
MIR4440	0	0	0	1
MIR4441	0	0	0	1
MIR2467	0	0	0	1
MIR4786	0	0	0	1
OR6B2	0	0	0	1
PRR21	0	0	0	1
OR6B3	0	0	0	1
OTOS	0	0.0385145	inf	1
AQP12B	0	0	0	1
KIF1A	0	0	0	1
LOC200772	0	0	0	1
DEFB125	0	0	0	1
DEFB126	0	0	0	1
DEFB127	0	0	0	1
DEFB129	0	0	0	1
DEFB132	0	0	0	1
TGM6	0	0	0	1
SNORD110	0	142.188	inf	1
SNORA51	0	0	0	1
SNORD56	0	0	0	1
SNORD57	0	0	0	1
C20orf141	0	0	0	1
TMEM239	0	0	0	1
MIR103A2	0	0	0	1
PRND	0	0	0	1
CHGB	0	0.00409046	inf	1
PLCB1	0	0	0	1
LAMP5	0	0	0	1
ANKEF1	0	0	0	1
SPTLC3	0	0	0	1
ISM1	0	0	0	1
OTOR	0	0	0	1
PCSK2	0	0	0	1
BANF2	0	0	0	1
LINC00851	0	0	0	1
MIR3192	0	0	0	1
SCP2D1	0	0	0	1
LOC100270679	0	0	0	1
SSTR4	0	0	0	1
CSTL1	0	0	0	1
CST8	0	0	0	1
CST13P	0	0	0	1
FLJ33581	0	0	0	1
SYNDIG1	0	0	0	1
DEFB115	0	0	0	1

DEFB118	0	0	0	1
DEFB123	0	0	0	1
REM1	0	0	0	1
LINC00028	0	0	0	1
MIR3193	0	0	0	1
COX4I2	0	0	0	1
XKR7	0	0	0	1
LOC149950	0	0	0	1
BPIFB2	0	0	0	1
BPIFB6	0	0	0	1
BPIFB3	0	0	0	1
BPIFB4	0	0	0	1
BPIFA2	0	0	0	1
BPIFA4P	0	0	0	1
BPIFA3	0	0	0	1
BPIFA1	0	0	0	1
BPIFB1	0	0	0	1
MIR4755	0	0	0	1
MIR644A	0	0	0	1
MIR499A	0	0	0	1
BPI	0	0	0	1
LBP	0	0	0	1
SNORA39	0	0	0	1
SNORA60	0	1.20652	inf	1
SLC32A1	0	0	0	1
PPP1R16B	0	0.00163656	inf	1
R3HDML	0	0	0	1
MIR3646	0	0	0	1
WISP2	0	0	0	1
SEMG1	0	0	0	1
SEMG2	0	0	0	1
RBPJL	0	0	0	1
WFDC10A	0	0	0	1
SPINT4	0	0	0	1
MMP9	0	0	0	1
EYA2	0	0.00474297	inf	1
MIR3616	0	0	0	1
LOC100131496	0	0.0164954	inf	1
SNORD12C	0	0	0	1
SNORD12B	0	0	0	1
SNORD12	0	0	0	1
MIR645	0	0	0	1
DOK5	0	0	0	1
MC3R	0	0	0	1
SPO11	0	0	0	1
MIR5095	0	0	0	1
PCK1	0	0	0	1
MIR4532	0	0	0	1
C20orf85	0	0	0	1

APCDD1L-AS1	0	0.00557662	inf	1
ZNF831	0	0	0	1
EDN3	0	0	0	1
PHACTR3	0	0.00490481	inf	1
C20orf197	0	0	0	1
MIR4533	0	0	0	1
C20orf166	0	0	0	1
MIR1-1	0	0	0	1
LOC63930	0	0.00375035	inf	1
LOC100144597	0	0	0	1
HAR1A	0	0	0	1
MIR124-3	0	0	0	1
MIR3196	0	0	0	1
FLJ16779	0	0	0	1
MIR4326	0	0	0	1
COL20A1	0	0.00842032	inf	1
MIR941-1,MIR941	0	0	0	1
MIR941-2,MIR941	0	0	0	1
DEFB128	0	0	0	1
SCRT2	0	0	0	1
RSPO4	0	0	0	1
SIRPB2	0	0	0	1
SIRPD	0	0	0	1
SIRPB1	0	0	0	1
SIRPG	0	0	0	1
LOC100289473	0	0	0	1
PDYN	0	0	0	1
SNORD119	0	0	0	1
CPXM1	0	0.00741869	inf	1
AVP	0	0	0	1
C20orf194	0	0	0	1
ADAM33	0	0	0	1
MIR103B2	0	0	0	1
ADRA1D	0	0	0	1
PRNT	0	0	0	1
PROKR2	0	0	0	1
HAO1	0	0	0	1
PAK7	0	0	0	1
SNAP25-AS1	0	0	0	1
LOC339593	0	0	0	1
ISM1-AS1	0	0.0102338	inf	1
SEL1L2	0	0	0	1
FLRT3	0	0	0	1
MACROD2-AS1	0	0	0	1
C20orf78	0	0	0	1
LOC100130264	0	0	0	1
NKX2-4	0	0	0	1
NKX2-2	0	0	0	1
LOC284788	0	0	0	1

LINC00261	0	0	0	1
FOXA2	0	0	0	1
THBD	0	0	0	1
LINC00656	0	0	0	1
CST11	0	0	0	1
CST9L	0	0	0	1
CST9	0	0	0	1
CST4	0	0	0	1
CST1	0	0	0	1
CST2	0	0	0	1
CST5	0	0	0	1
VSX1	0	0	0	1
LOC284798	0	0	0	1
DEFB116	0	0	0	1
DEFB119	0	0	0	1
DEFB121	0	0	0	1
DEFB122	0	0	0	1
DEFB124	0	0	0	1
FOXS1	0	0.0134007	inf	1
C20orf203	0	0.0101058	inf	1
SUN5	0	0	0	1
HMGB3P1	0	0	0	1
GGT7	0	0.0126903	inf	1
MIR499B	0	0	0	1
C20orf173	0	0.00574165	inf	1
GHRH	0	0	0	1
LINC00489	0	0	0	1
LOC339568	0	0	0	1
PTPRT	0	0	0	1
LOC79015	0	0	0	1
WFDC5	0	0	0	1
WFDC12	0	0	0	1
SLPI	0	0.0360995	inf	1
SPINT3	0	0	0	1
WFDC8	0	0	0	1
WFDC9	0	0	0	1
WFDC11	0	0.021124	inf	1
CDH22	0	0	0	1
ZNF663	0	0	0	1
MKRN7P	0	0	0	1
ZNF334	0	0	0	1
OCSTAMP	0	0	0	1
KCNB1	0	0	0	1
LINC00651	0	0	0	1
MIR3194	0	0	0	1
SUMO1P1	0	0	0	1
MIR4756	0	0	0	1
CBLN4	0	0	0	1
BMP7	0	0.0075977	inf	1

MIR4325	0	0	0	1
CTCFL	0	0.00662556	inf	1
ZBP1	0	0	0	1
APCDD1L	0	0	0	1
MIR296	0	0	0	1
MIR298	0	0	0	1
GNAS-AS1	0	0.015645	inf	1
LOC100506384	0	0	0	1
MIR1257	0	0	0	1
RBBP8NL	0	0	0	1
C20orf166-AS1	0	0	0	1
BHLHE23	0	0	0	1
LINC00029	0	0	0	1
HAR1B	0	0	0	1
NKAIN4	0	0	0	1
CHRNA4	0	0	0	1
MIR1914	0	0	0	1
MIR647	0	0	0	1
SOX18	0	0	0	1
C20orf201	0	0	0	1
NPBWR2	0	0	0	1
MIR3687	0	0	0	1
POTED	0	0	0	1
RBM11	0	0	0	1
ABCC13	0	0	0	1
SAMSN1-AS1	0	0	0	1
LINC00478	0	0	0	1
MIR99A	0	0	0	1
MIRLET7C	0	0	0	1
MIR125B2	0	0	0	1
C21orf37	0	0	0	1
NCAM2	0	0	0	1
RNU6-67	0	0	0	1
LINC00308	0	0	0	1
LOC339622	0	0	0	1
MIR4759	0	0	0	1
LINC00113	0	0	0	1
LINC00314	0	0	0	1
GRIK1-AS1	0	0	0	1
KRTAP13-1	0	0	0	1
KRTAP13-4	0	0	0	1
KRTAP15-1	0	0	0	1
KRTAP6-3	0	0	0	1
KRTAP22-1	0	0	0	1
KRTAP20-1	0	0	0	1
KRTAP20-4	0	0	0	1
KRTAP20-2	0	0	0	1
KRTAP20-3	0	0	0	1
OLIG2	0	0	0	1

OLIG1	0	0	0	1
CLIC6	0	0	0	1
MIR802	0	0	0	1
DSCR8	0	0	0	1
DSCR10	0	0	0	1
KCNJ15	0	0	0	1
BRWD1-AS1	0	0	0	1
DSCAM-AS1	0	0.00687965	inf	1
MIR3197	0	0	0	1
LINC00111	0	0	0	1
LINC00112	0	0	0	1
UMODL1	0	0.0029881	inf	1
UBASH3A	0	0	0	1
PDE9A	0	0	0	1
CRYAA	0	0	0	1
AIRE	0	0.00719329	inf	1
TRPM2	0	0.00571697	inf	1
KRTAP10-4	0	0	0	1
KRTAP10-7	0	0	0	1
KRTAP10-8	0	0	0	1
KRTAP10-9	0	0	0	1
KRTAP10-10	0	0	0	1
KRTAP10-11	0	0	0	1
KRTAP12-3	0	0	0	1
KRTAP10-12	0	0	0	1
TPTE	0	0	0	1
BAGE,BAGE3,BA	0	0	0	1
MIR3156-3	0	0	0	1
ANKRD20A11P	0	0	0	1
LIPI	0	0	0	1
SAMSN1	0	0.00478467	inf	1
LOC388813	0	0	0	1
CHODL-AS1	0	0	0	1
TMPRSS15	0	0	0	1
LINC00320	0	0	0	1
LINC00317	0	0	0	1
D21S2088E	0	0	0	1
LINC00158	0	0.0120477	inf	1
CYYR1	0	0	0	1
ADAMTS1	0	0	0	1
MIR5009	0	0	0	1
CLDN17	0	0	0	1
LINC00307	0	0	0	1
CLDN8	0	0	0	1
KRTAP24-1	0	0	0	1
KRTAP25-1	0	0	0	1
KRTAP26-1	0	0	0	1
KRTAP27-1	0	0	0	1
KRTAP23-1	0	0	0	1

KRTAP13-2	0	0	0	1
MIR4327	0	0	0	1
KRTAP13-3	0	0	0	1
KRTAP19-1	0	0	0	1
KRTAP19-2	0	0	0	1
KRTAP19-3	0	0	0	1
KRTAP19-4	0	0	0	1
KRTAP19-5	0	0	0	1
KRTAP19-6	0	0	0	1
KRTAP19-7	0	0	0	1
KRTAP22-2	0	0	0	1
KRTAP6-2	0	0	0	1
KRTAP6-1	0	0	0	1
KRTAP21-3	0	0	0	1
KRTAP21-2	0	0	0	1
KRTAP21-1	0	0	0	1
KRTAP8-1	0	0	0	1
KRTAP7-1	0	0	0	1
KRTAP11-1	0	0	0	1
KRTAP19-8	0	0	0	1
LINC00159	0	0	0	1
C21orf54	0	0	0	1
LINC00160	0	0	0	1
RUNX1-IT1	0	0.0076149	inf	1
LOC100506403	0	0	0	1
KCNJ6	0	0	0	1
DSCR4	0	0	0	1
ERG	0	0	0	1
LINC00114	0	0	0	1
C21orf88	0	0.00774804	inf	1
DSCAM	0	0	0	1
MIR4760	0	0	0	1
DSCAM-IT1	0	0	0	1
LINC00323	0	0.00502694	inf	1
TMPRSS2	0	0.00413231	inf	1
LINC00479	0	0	0	1
C21orf128	0	0.0089934	inf	1
TFF3	0	0	0	1
TFF2	0	0	0	1
TFF1	0	0	0	1
TMPRSS3	0	0	0	1
CBS	0	0.0315179	inf	1
KRTAP10-1	0	0	0	1
KRTAP10-2	0	0	0	1
KRTAP10-3	0	0	0	1
KRTAP10-5	0	0	0	1
KRTAP10-6	0	0	0	1
KRTAP12-4	0	0	0	1
KRTAP12-2	0	0	0	1

KRTAP12-1	0	0	0	1
ITGB2	0	0	0	1
LINC00162	0	0	0	1
COL18A1-AS2	0	0	0	1
LOC100129027	0	0	0	1
S100B	0	0	0	1
TPTEP1	0	0.0088419 inf		1
HSFY1P1	0	0	0	1
FLJ41941	0	0.00499685 inf		1
MIR185	0	0	0	1
POM121L4P	0	0	0	1
SERPIND1	0	0	0	1
LOC400891	0	0.00432779 inf		1
MIR301B	0	0	0	1
MIR130B	0	0	0	1
VPREB1	0	0	0	1
MIR650	0	0	0	1
IGLL5	0	0	0	1
C22orf15	0	0	0	1
MYO18B	0	0.00160488 inf		1
SEZ6L	0	0	0	1
MIR3199-2	0	0	0	1
HORMAD2	0	0	0	1
MIR3200	0	0	0	1
AP1B1P1	0	0	0	1
RFPL3	0	0	0	1
TIMP3	0	0.0021102 inf		1
MIR3909	0	0	0	1
APOL5	0	0	0	1
LOC100506241	0	0	0	1
CYTH4	0	0.0332787 inf		1
MIR4534	0	0	0	1
SYNGR1	0	0	0	1
MCHR1	0	0.00627924 inf		1
MIR1281	0	0	0	1
MIR33A	0	0	0	1
MPPED1	0	0	0	1
EFCAB6-AS1	0	0	0	1
LINC00207	0	0	0	1
UPK3A	0	0	0	1
RIBC2	0	0	0	1
FBLN1	0	0	0	1
MIR4762	0	0	0	1
MIR3619	0	0	0	1
MIR3201	0	0	0	1
FAM19A5	0	0	0	1
MIR4535	0	0	0	1
LOC100128946	0	0	0	1
PANX2	0	0.00850512 inf		1

ADM2	0	0.00787439	inf	1
MIOX	0	0	0	1
POTEH	0	0	0	1
OR11H1	0	0	0	1
CCT8L2	0	0	0	1
ANKRD62P1-PAR	0	0	0	1
XKR3	0	0	0	1
GAB4	0	0	0	1
CECR3	0	0	0	1
MIR3198-1	0	0	0	1
MIR648	0	0	0	1
GSC2	0	0	0	1
LOC150185	0	0	0	1
LOC284865	0	0.00518389	inf	1
MIR1286	0	0	0	1
TUBA3FP	0	0.0202294	inf	1
SLC7A4	0	0	0	1
P2RX6P	0	0	0	1
ZNF280B	0	0	0	1
ZNF280A	0	0	0	1
POM121L1P	0	0.0308415	inf	1
CES5AP1	0	0	0	1
IGLL1	0	0.0756707	inf	1
GSTTP2	0	0	0	1
GGT5	0	0	0	1
PIWIL3	0	0.00534885	inf	1
TMEM211	0	0	0	1
MIR548J	0	0	0	1
CRYBB1	0	0.0209351	inf	1
MIR3199-1	0	0	0	1
C22orf31	0	0	0	1
MIR3653	0	19.3773	inf	1
SEC14L6	0	0	0	1
MIR3928	0	0	0	1
C22orf42	0	0	0	1
BPIFC	0	0	0	1
MIR4764	0	0	0	1
MB	0	0	0	1
APOL3	0	0	0	1
CACNG2	0	0	0	1
PVALB	0	0	0	1
TEX33	0	0	0	1
IL2RB	0	0	0	1
SSTR3	0	0	0	1
ELFN2	0	0	0	1
LGALS2	0	0	0	1
MIR659	0	0	0	1
SOX10	0	0.00639948	inf	1
RNU86	0	0	0	1

SNORD43	0	0	0	1
ENTHD1	0	0	0	1
MIR4766	0	0	0	1
SHISA8	0	0	0	1
ATP5L2	0	0.0167544	inf	1
SULT4A1	0	0	0	1
PNPLA5	0	0	0	1
LINC00229	0	0	0	1
PHF21B	0	0	0	1
MIR1249	0	0	0	1
FLJ46257	0	0	0	1
LOC284933	0	0	0	1
C22orf34	0	0	0	1
IL17REL	0	0	0	1
CHL1	0	0	0	1
CNTN6	0	0	0	1
LRRN1	0	0	0	1
GRM7	0	0	0	1
LINC00312	0	0.0056231	inf	1
CAV3	0	0	0	1
SLC6A11	0	0	0	1
SLC6A1	0	0	0	1
SYN2	0	0	0	1
PPARG	0	0	0	1
FGD5P1	0	0.00385656	inf	1
TPRXL	0	0	0	1
FGD5	0	0.0022169	inf	1
MIR563	0	0	0	1
LOC339862	0	0	0	1
VENTXP7	0	0	0	1
UBE2E2	0	0	0	1
MIR548AC	0	0	0	1
THRB-AS1	0	0	0	1
LRRC3B	0	0	0	1
LINC00693	0	0	0	1
OSBPL10-AS1	0	0	0	1
TRIM71	0	0.00650551	inf	1
CCR4	0	0	0	1
ARPP21	0	0	0	1
MIR128-2	0	0	0	1
STAC	0	0	0	1
MLH1	0	0	0	1
MIR26A1	0	0	0	1
CCR8	0	0	0	1
ENTPD3	0	0.00326394	inf	1
KLHL40	0	0	0	1
CCDC13-AS1	0	0	0	1
KRBOX1	0	0	0	1
MIR138-1	0	0	0	1

TOPAZ1	0	0	0	1
CCR3	0	0	0	1
CCR2	0	0	0	1
CCR5	0	0	0	1
RTP3	0	0	0	1
LRRC2-AS1	0	0	0	1
TDGF1	0	0.00670232	inf	1
LOC100132146	0	0	0	1
MIR1226	0	123.928	inf	1
MIR4443	0	0	0	1
CAMP	0	0	0	1
MIR4271	0	0	0	1
SLC38A3	0	0.00498541	inf	1
MIR4787	0	0	0	1
IQCF3	0	0	0	1
IQCF2	0	0	0	1
SNORD19	0	0	0	1
SNORD19B	0	0	0	1
SNORD69	0	0	0	1
ITIH3	0	0	0	1
CACNA2D3	0	0	0	1
ARHGEF3-AS1	0	0	0	1
LINC00698	0	0	0	1
SYNPR	0	0	0	1
SNTN	0	0.00681996	inf	1
PRICKLE2-AS1	0	0	0	1
PRICKLE2-AS2	0	0	0	1
ADAMTS9-AS2	0	0	0	1
MIR548A2	0	0	0	1
MAG11-AS1	0	0	0	1
MIR4272	0	0	0	1
GPR27	0	0	0	1
LOC201617	0	0	0	1
MIR4444-1	0	0	0	1
MIR1324	0	0	0	1
MIR4273	0	0	0	1
CADM2	0	0	0	1
MIR5688	0	0	0	1
HTR1F	0	0	0	1
LOC255025	0	0	0	1
EPHA6	0	0	0	1
OR5AC2	0	0	0	1
OR5H1	0	0	0	1
OR5H14	0	0	0	1
OR5H15	0	0	0	1
OR5H6	0	0	0	1
OR5H2	0	0	0	1
OR5K4	0	0	0	1
OR5K3	0	0	0	1

OR5K1	0	0	0	1
GPR15	0	0	0	1
COL8A1	0	0	0	1
CCDC54	0	0	0	1
TRAT1	0	0	0	1
FLJ22763	0	0	0	1
LINC00488	0	0.00306784	inf	1
FLJ25363	0	0	0	1
TMPRSS7	0	0	0	1
MIR567	0	0	0	1
BOC	0	0	0	1
WDR52-AS1	0	0	0	1
MIR4446	0	0	0	1
ZBTB20-AS1	0	0	0	1
GAP43	0	0.00548576	inf	1
LSAMP-AS3	0	0	0	1
IGSF11-AS1	0	0	0	1
C3orf30	0	0	0	1
UPK1B	0	0	0	1
MAATS1	0	0	0	1
CD86	0	0	0	1
CASR	0	0	0	1
PARP15	0	0.00309382	inf	1
MIR5002	0	0	0	1
ROPN1B	0	0	0	1
ALDH1L1-AS1	0	0	0	1
ALDH1L1-AS2	0	0	0	1
NUP210P1	0	0	0	1
DNAJB8-AS1	0	0	0	1
LOC90246	0	0	0	1
EFCC1	0	0	0	1
GP9	0	0	0	1
RHO	0	0	0	1
H1FOO	0	0	0	1
TRH	0	0.00736546	inf	1
COL6A5	0	0	0	1
ACPP	0	0	0	1
NPHP3-AS1	0	0	0	1
TMEM108	0	0	0	1
BFSP2	0	0	0	1
MIR4788	0	0	0	1
SLC35G2	0	0	0	1
SOX14	0	0	0	1
ESYT3	0	0.00265011	inf	1
BPESC1	0	0	0	1
CLSTN2	0	0.00237898	inf	1
TRIM42	0	0	0	1
SPSB4	0	0	0	1
GRK7	0	0	0	1

LOC100507389	0	0	0	1
CHST2	0	0	0	1
SLC9A9-AS1	0	0	0	1
ZIC1	0	0	0	1
AGTR1	0	0	0	1
CPB1	0	0	0	1
CPA3	0	0	0	1
HLTF-AS1	0	0	0	1
TM4SF4	0	0	0	1
CLRN1-AS1	0	0	0	1
MED12L	0	0	0	1
MIR548H2	0	0	0	1
AADA2L2	0	0	0	1
LOC201651	0	0	0	1
SUCNR1	0	0	0	1
MME	0	0	0	1
LOC100498859	0	0	0	1
C3orf55	0	0	0	1
MLF1	0	0.00873466	inf	1
MIR3919	0	0	0	1
MIR15B	0	0	0	1
MIR16-2	0	0	0	1
OTOL1	0	0	0	1
LOC646168	0	0	0	1
EGFEM1P	0	0.00231822	inf	1
MIR551B	0	0	0	1
SAMD7	0	0	0	1
NLGN1	0	0	0	1
NAALADL2	0	0	0	1
MIR4789	0	0	0	1
LINC00578	0	0	0	1
ABCC5-AS1	0	0	0	1
HTR3D	0	0	0	1
HTR3C	0	0	0	1
HTR3E	0	0	0	1
MIR1224	0	0	0	1
SNORD66	0	0	0	1
EPHB3	0	0	0	1
EHHADH-AS1	0	0	0	1
LOC344887	0	0	0	1
HRG	0	0	0	1
KNG1	0	0	0	1
SNORD2	0	0	0	1
ADIPOQ	0	0.00226974	inf	1
RTP1	0	0	0	1
RTP4	0	0	0	1
LOC100131635	0	0	0	1
TP63	0	0	0	1
MIR944	0	0	0	1

SNAR-1	0	0	0	1
OSTN	0	0	0	1
PYDC2	0	0	0	1
MIR570	0	0	0	1
LOC401109	0	0	0	1
FAM157A	0	0	0	1
CNTN4-AS2	0	0	0	1
IL5RA	0	0.0018021 inf		1
EGOT	0	0	0	1
BHLHE40-AS1	0	0	0	1
MIR4790	0	0	0	1
LMCD1-AS1	0	0.00438977 inf		1
CIDEC	0	0	0	1
FANCD2OS	0	0.0601737 inf		1
MIR885	0	0	0	1
LINC00606	0	0	0	1
SLC6A1-AS1	0	0	0	1
TIMP4	0	0	0	1
WNT7A	0	0	0	1
MIR4270	0	0	0	1
DAZL	0	0	0	1
MIR4791	0	0	0	1
ZNF385D	0	0	0	1
LINC00691	0	0	0	1
THRB	0	0.00142031 inf		1
MIR4442	0	0	0	1
LINC00692	0	0	0	1
EOMES	0	0	0	1
GADL1	0	0	0	1
DCLK3	0	0	0	1
SCN10A	0	0	0	1
SCN11A	0	0.00293999 inf		1
CCK	0	0	0	1
LYZL4	0	0	0	1
HHATL	0	0	0	1
LARS2-AS1	0	0.0105673 inf		1
XCR1	0	0	0	1
CCR1	0	0	0	1
LTF	0	0	0	1
PRSS46	0	0.0159898 inf		1
PRSS45	0	0	0	1
PRSS42	0	0	0	1
MYL3	0	0	0	1
SPINK8	0	0	0	1
MIR425	0	0	0	1
MIR191	0	0	0	1
LOC646498	0	0	0	1
BSN-AS2	0	0	0	1
CDHR4	0	0	0	1

CAMKV	0	0.00909954	inf	1
IQCF6	0	0	0	1
IQCF5	0	0	0	1
LINC00696	0	0.00430294	inf	1
MIRLET7G	0	0	0	1
MIR135A1	0	0	0	1
CACNA2D3-AS1	0	0	0	1
LRTM1	0	0	0	1
WNT5A	0	0	0	1
ERC2	0	0	0	1
ERC2-IT1	0	0	0	1
MIR3938	0	0	0	1
DNASE1L3	0	0	0	1
FAM107A	0	0.00699056	inf	1
FAM3D	0	0.00915459	inf	1
C3orf67	0	0	0	1
FEZF2	0	0	0	1
SYNPR-AS1	0	0	0	1
LOC100287879	0	0	0	1
PRICKLE2	0	0	0	1
FAM19A4	0	0	0	1
MIR3136	0	0	0	1
MIR1284	0	0	0	1
PROK2	0	0	0	1
PDZRN3	0	0.00360124	inf	1
CNTN3	0	0	0	1
LOC440970	0	0.00236325	inf	1
CADM2-AS2	0	0	0	1
RNU6-69	0	0	0	1
VGLL3	0	0	0	1
MIR4795	0	0	0	1
POU1F1	0	0	0	1
GABRR3	0	0	0	1
ST3GAL6-AS1	0	0	0	1
MIR548G	0	0	0	1
MIR3921	0	0	0	1
MIR548A3	0	0	0	1
LINC00635	0	0	0	1
RETNLB	0	0	0	1
GUCA1C	0	0	0	1
MORC1	0	0	0	1
DPPA2	0	0	0	1
DPPA4	0	0	0	1
ZBED2	0	0	0	1
CD200R1L	0	0	0	1
DRD3	0	0	0	1
MIR568	0	0	0	1
MIR4796	0	0	0	1
CD80	0	0.00351517	inf	1

ILDR1	0	0	0	1
SEMA5B	0	0	0	1
ROPN1	0	0	0	1
MIR5092	0	0	0	1
MIR54811	0	0	0	1
C3orf22	0	0	0	1
C3orf27	0	0	0	1
KIAA1257	0	0	0	1
CPNE4	0	0	0	1
MIR5704	0	0	0	1
C3orf36	0	0	0	1
SLCO2A1	0	0	0	1
KY	0	0.00179518	inf	1
A4GNT	0	0.00536414	inf	1
FOXL2	0	0	0	1
PRR23B	0	0	0	1
PISRT1	0	0	0	1
RBP2	0	0	0	1
RBP1	0	0	0	1
PCOLCE2	0	0	0	1
PAQR9	0	0	0	1
PLSCR4	0	0.00614921	inf	1
PLSCR2	0	0	0	1
PLSCR5	0	0	0	1
ZIC4	0	0	0	1
ANKUB1	0	0	0	1
CLRN1	0	0	0	1
GPR171	0	0	0	1
P2RY14	0	0	0	1
P2RY13	0	0	0	1
P2RY12	0	0	0	1
IGSF10	0	0	0	1
MIR5186	0	0	0	1
GPR149	0	0	0	1
KCNAB1-AS2	0	0	0	1
KCNAB1-AS1	0	0	0	1
LOC730091	0	0	0	1
SPTSSB	0	0	0	1
CT64	0	0	0	1
SLITRK3	0	0.00256895	inf	1
BCHE	0	0	0	1
ZBBX	0	0	0	1
LRRC31	0	0	0	1
SLC2A2	0	0	0	1
MIR569	0	0	0	1
GHSR	0	0	0	1
SPATA16	0	0	0	1
NAALADL2-AS3	0	0	0	1
FLJ46066	0	0	0	1

C3orf70	0	0.00488002	inf	1
LOC253573	0	0	0	1
ADIPOQ-AS1	0	0	0	1
RPL39L	0	0	0	1
SST	0	0	0	1
RTP2	0	0	0	1
CLDN1	0	0	0	1
TMEM207	0	0	0	1
GMNC	0	0	0	1
FGF12	0	0	0	1
ATP13A4	0	0	0	1
OPA1-AS1	0	0	0	1
LOC647323	0	0	0	1
DPPA2P3	0	0	0	1
LOC100131551	0	0.00687028	inf	1
CPN2	0	0	0	1
MIR5692C1	0	0	0	1
APOD	0	0	0	1
MIR4797	0	0	0	1
ZNF141	0	0	0	1
LOC402160	0	0.0164292	inf	1
FLJ35424	0	0	0	1
STK32B	0	0	0	1
LOC285484	0	0	0	1
MIR4798	0	0	0	1
MIR4274	0	0	0	1
GPR78	0	0.00329935	inf	1
LOC650293	0	0	0	1
USP17L10	0	0	0	1
USP17L18	0	0	0	1
USP17L21	0	0	0	1
USP17L13	0	0	0	1
USP17L15	0	0	0	1
USP17L17	0	0	0	1
USP17L18	0	0	0	1
USP17L19	0	0	0	1
USP17L22	0	0	0	1
USP17L12	0	0	0	1
USP17L22	0	0	0	1
USP17L28	0	0	0	1
USP17L26	0	0	0	1
USP17L24	0	0	0	1
USP17L28	0	0	0	1
USP17L25	0	0	0	1
USP17L30	0	0	0	1
USP17L27	0	0	0	1
USP17L9P	0	0	0	1
USP17L27	0	0	0	1
USP17L6P	0	0	0	1

MIR572	0	0	0	1
MIR5091	0	0	0	1
LOC152742	0	0	0	1
CD38	0	0	0	1
CLRN2	0	0	0	1
SLIT2	0	0	0	1
SLIT2-IT1	0	0	0	1
MIR218-1	0	0	0	1
GBA3	0	0	0	1
SOD3	0	0	0	1
SLC34A2	0	0.00329913	inf	1
MIR4275	0	0	0	1
PCDH7	0	0.00276384	inf	1
DTHD1	0	0	0	1
KIAA1239	0	0	0	1
MIR574	0	0	0	1
CHRNA9	0	0	0	1
NSUN7	0	0.00303537	inf	1
UCLH1	0	0	0	1
SHISA3	0	0	0	1
GRXCR1	0	0	0	1
GABRB1	0	0	0	1
CWH43	0	0	0	1
SPATA18	0	0	0	1
MIR4449	0	0	0	1
LOC152578	0	0	0	1
LNX1-AS1	0	0	0	1
LNX1-AS2	0	0	0	1
GSX2	0	0	0	1
PDGFRA	0	0	0	1
KIT	0	0	0	1
LOC644145	0	0	0	1
THEGL	0	0	0	1
LOC255130	0	0	0	1
LPHN3	0	0	0	1
LOC100144602	0	0	0	1
LOC550113	0	0	0	1
FTLP10	0	0	0	1
TMPRSS11E	0	0	0	1
UGT2B10	0	0	0	1
UGT2B7	0	0	0	1
UGT2B28	0	0	0	1
CSN1S1	0	0	0	1
STATH	0	0	0	1
HTN3	0	0	0	1
HTN1	0	0	0	1
CSN1S2AP	0	0	0	1
CSN1S2BP	0	0	0	1
C4orf40	0	0.00209622	inf	1

ODAM	0	0	0	1
FDCSP	0	0	0	1
CSN3	0	0	0	1
CABS1	0	0	0	1
SMR3A	0	0	0	1
SMR3B	0	0	0	1
PROL1	0	0	0	1
MUC7	0	0	0	1
AMTN	0	0	0	1
AMBN	0	0	0	1
NPFFR2	0	0	0	1
AFP	0	0	0	1
AFM	0	0	0	1
LOC728040	0	0	0	1
CXCL6	0	0	0	1
PF4V1	0	0	0	1
AREG	0	0	0	1
AREG	0	0.0148248	inf	1
LOC441025	0	0	0	1
ART3	0	0	0	1
MIR4450	0	0	0	1
GDEP	0	0.00671072	inf	1
MIR4451	0	0	0	1
DSPP	0	0	0	1
DMP1	0	0	0	1
IBSP	0	0	0	1
MEPE	0	0	0	1
LOC644248	0	0	0	1
MMRN1	0	0	0	1
CCSER1	0	0	0	1
GRID2	0	0	0	1
ATOH1	0	0	0	1
BMPR1B	0	0.00298805	inf	1
PDHA2	0	0	0	1
MIR3684	0	0	0	1
C4orf17	0	0	0	1
BANK1	0	0	0	1
ARHGEF38-IT1	0	0	0	1
MIR1243	0	0	0	1
MIR577	0	0	0	1
MIR1973	0	0	0	1
NDST3	0	0.00310942	inf	1
CEP170P1	0	0	0	1
PP12613	0	0	0	1
LOC285419	0	0	0	1
FAT4	0	0	0	1
MIR2054	0	0	0	1
SLC25A31	0	0	0	1
PCDH10	0	0	0	1

LINC00499	0	0	0	1
SCOC	0	0	0	1
GUSBP5	0	0	0	1
HHIP	0	0	0	1
C4orf51	0	0	0	1
EDNRA	0	0	0	1
MIR4799	0	0	0	1
PRSS48	0	0.0207698	inf	1
TLR2	0	0	0	1
FGB	0	0.00434438	inf	1
RBM46	0	0	0	1
NPY2R	0	0	0	1
GUCY1A3	0	0	0	1
GUCY1B3	0	0	0	1
GLRB	0	0	0	1
GRIA2	0	0	0	1
LOC340017	0	0	0	1
RXFP1	0	0	0	1
MIR3688-2	0	0	0	1
NPY5R	0	0	0	1
MIR5684	0	0	0	1
LOC100505989	0	0	0	1
LOC100506013	0	0.00402974	inf	1
FAM218A	0	0	0	1
TRIM60	0	0.00409545	inf	1
CPE	0	0	0	1
MIR578	0	0	0	1
TLL1	0	0	0	1
ANXA10	0	0	0	1
LOC100506122	0	0	0	1
GALNTL6	0	0	0	1
NBLA00301	0	0	0	1
MIR4276	0	0	0	1
ADAM29	0	0	0	1
WDR17	0	0	0	1
LOC285501	0	0	0	1
MIR1305	0	0	0	1
HELT	0	0	0	1
F11	0	0	0	1
ZFP42	0	0	0	1
LOC401164	0	0	0	1
DUX2	0	0	0	1
DUX4L4	0	0	0	1
DUX4L5	0	0	0	1
DUX4L6	0	0	0	1
DUX4L4	0	0	0	1
DUX4	0	0	0	1
DUX4L3	0	0	0	1
DUX4	0	0	0	1

RNF212	0	0	0	1
TMED11P	0	0	0	1
HTT-AS1	0	0	0	1
LOC100133461	0	0	0	1
CYTL1	0	0	0	1
EVC2	0	0	0	1
MIR378D1	0	0	0	1
JAKMIP1	0	0	0	1
PSAPL1	0	0	0	1
HMX1	0	0	0	1
MIR548I2	0	0.998387 inf		1
MIR3138	0	0	0	1
CLNK	0	0	0	1
HS3ST1	0	0	0	1
LOC285547	0	0	0	1
NKX3-2	0	0	0	1
LOC285548	0	0	0	1
LOC441009	0	0	0	1
FGFBP1	0	0	0	1
FGFBP2	0	0	0	1
LDB2	0	0	0	1
MIR548AX	0	0	0	1
KCNIP4-IT1	0	0	0	1
MIR548AJ2	0	0	0	1
MIR573	0	0	0	1
CCKAR	0	0	0	1
MIR4801	0	0	0	1
LOC344967	0	0	0	1
MIR4802	0	0	0	1
PHOX2B	0	0	0	1
BEND4	0	0	0	1
KCTD8	0	0	0	1
YIPF7	0	0.040597 inf		1
GABRA2	0	0	0	1
COX7B2	0	0	0	1
GABRA4	0	0	0	1
ERVMER34-1	0	0	0	1
HOPX	0	0	0	1
SPINK2	0	0	0	1
TECRL	0	0	0	1
LOC401134	0	0	0	1
EPHA5	0	0	0	1
TMPRSS11D	0	0	0	1
TMPRSS11A	0	0	0	1
TMPRSS11GP	0	0	0	1
TMPRSS11F	0	0	0	1
SYT14L	0	0	0	1
TMPRSS11BNL	0	0	0	1
TMPRSS11B	0	0	0	1

UGT2B15	0	0	0	1
UGT2A3	0	0	0	1
UGT2B10	0	0	0	1
UGT2B11	0	0	0	1
UGT2B4	0	0	0	1
SULT1B1	0	0	0	1
CSN2	0	0	0	1
GC	0	0	0	1
ADAMTS3	0	0.00163648	inf	1
RASSF6	0	0	0	1
PF4	0	0	0	1
PPBP	0	0	0	1
CXCL5	0	0	0	1
PPBPP2	0	0	0	1
CXCL9	0	0	0	1
CXCL10	0	0	0	1
CXCL11	0	0	0	1
SOWAHB	0	0	0	1
NAA11	0	0	0	1
GK2	0	0	0	1
PRKG2	0	0	0	1
LINC00575	0	0	0	1
MIR575	0	0	0	1
NKX6-1	0	0	0	1
MAPK10	0	0	0	1
MIR5705	0	0	0	1
SPARCL1	0	0.00545967	inf	1
GPRIN3	0	0	0	1
SNCA	0	0	0	1
HPGDS	0	0	0	1
UNC5C	0	0	0	1
STPG2	0	0	0	1
ADH4	0	0	0	1
PCNAP1	0	0	0	1
ADH1A	0	0	0	1
ADH1B	0	0	0	1
ADH1C	0	0	0	1
ADH7	0	0	0	1
DDIT4L	0	0	0	1
EMCN	0	0	0	1
EMCN-IT3	0	0	0	1
TACR3	0	0	0	1
GIMD1	0	0	0	1
DKK2	0	0	0	1
AGXT2L1	0	0	0	1
CFI	0	0	0	1
NEUROG2	0	0	0	1
MIR367	0	0	0	1
MIR302D	0	0	0	1

MIR302A	0	0	0	1
MIR302C	0	0	0	1
MIR302B	0	0	0	1
NDST4	0	0	0	1
TRAM1L1	0	0	0	1
TNIP3	0	0	0	1
QRFPR	0	0	0	1
TMEM155	0	0	0	1
TRPC3	0	0	0	1
IL2	0	0	0	1
IL21	0	0	0	1
PABPC4L	0	0	0	1
LINC00616	0	0	0	1
LOC100129858	0	0	0	1
CLGN	0	0	0	1
UCP1	0	0	0	1
TBC1D9	0	0	0	1
TNRC18P1	0	0	0	1
RNF150	0	0	0	1
INPP4B	0	0	0	1
FREM3	0	0	0	1
GYPE	0	0	0	1
GYPB	0	0	0	1
GYPA	0	0	0	1
LOC100505545	0	0	0	1
TTC29	0	0	0	1
MIR3140	0	0	0	1
TMEM154	0	0.00261827	inf	1
RNF175	0	0	0	1
SFRP2	0	0	0	1
DCHS2	0	0	0	1
FGA	0	0	0	1
FGG	0	0.00491364	inf	1
MAP9	0	0	0	1
ASIC5	0	0	0	1
PDGFC	0	0	0	1
C4orf45	0	0	0	1
MIR3688-1	0	0	0	1
FSTL5	0	0	0	1
NPY1R	0	0	0	1
TKTL2	0	0	0	1
ANP32C	0	0	0	1
TRIM61	0	0.0144916	inf	1
LOC100506085	0	0	0	1
SCRG1	0	0	0	1
HAND2	0	0	0	1
HPGD	0	0	0	1
GLRA3	0	0	0	1
ASB5	0	0	0	1

VEGFC	0	0	0	1
LINC00290	0	0	0	1
LOC728175	0	0	0	1
MIR3945	0	0	0	1
LOC100506229	0	0	0	1
PDLIM3	0	0	0	1
SORBS2	0	0.00482761 inf		1
LOC285441	0	0	0	1
MTNR1A	0	0	0	1
LOC339975	0	0	0	1
FRG2	0	0.00508874 inf		1
SLC6A19	0	0	0	1
SLC6A18	0	0	0	1
IRX1	0	0	0	1
LOC340094	0	0	0	1
UBE2QL1	0	0	0	1
LOC255167	0	0	0	1
ADCY2	0	0	0	1
LOC100505806	0	0	0	1
SNORD123	0	0	0	1
CT49	0	0	0	1
FBXL7	0	0	0	1
BASP1	0	0	0	1
PMCHL1	0	0	0	1
PRDM9	0	0	0	1
LSP1P3	0	0	0	1
LOC340113	0	0	0	1
RXFP3	0	0	0	1
IL7R	0	0.00205927 inf		1
SLC1A3	0	0	0	1
EGFLAM	0	0	0	1
CCDC152	0	0	0	1
NNT	0	0.00179999 inf		1
HSPB3	0	0	0	1
SNX18	0	0	0	1
GZMK	0	0	0	1
GZMA	0	0	0	1
GAPT	0	0	0	1
RAB3C	0	0	0	1
PART1	0	0.00334793 inf		1
C5orf64	0	0.003414 inf		1
RNF180	0	0	0	1
RGS7BP	0	0	0	1
FAM159B	0	0	0	1
SERF1A	0	0	0	1
CARTPT	0	0	0	1
MIR4803	0	0	0	1
MIR4804	0	0	0	1
TMEM174	0	0	0	1

SV2C	0	0	0	1
NCRUPAR	0	0.0370212	inf	1
F2RL1	0	0	0	1
S100Z	0	0	0	1
CRHBP	0	0	0	1
SPZ1	0	0	0	1
RNU5E-1	0	0	0	1
MIR3977	0	0	0	1
VCAN	0	0.000916617	inf	1
NBPF22P	0	0.00401692	inf	1
MIR3607	0	0	0	1
MIR548AO	0	0	0	1
GPR150	0	0	0	1
MIR583	0	0	0	1
RAB9BP1	0	0	0	1
LOC100289673	0	0	0	1
CAMK4	0	0	0	1
NREP-AS1	0	0	0	1
SNORA13	0	1.22023	inf	1
FLJ11235	0	0	0	1
KCNN2	0	0	0	1
ARL14EPL	0	0	0	1
MIR1244-2	0	0	0	1
PRR16	0	0	0	1
FTMT	0	0	0	1
GRAMD3	0	0.00369574	inf	1
MEGF10	0	0	0	1
CTXN3	0	0.00650316	inf	1
SLC27A6	0	0	0	1
MIR4633	0	0	0	1
ADAMTS19	0	0	0	1
KIAA1024L	0	0	0	1
CHSY3	0	0	0	1
IL3	0	0	0	1
PDLIM4	0	0	0	1
IL4	0	0.0671878	inf	1
FBXL21	0	0	0	1
NPY6R	0	0	0	1
WNT8A	0	0.0079928	inf	1
VTRNA1-2	0	0	0	1
PCDHB1	0	0	0	1
PCDHB17	0	0	0	1
MIR5197	0	0	0	1
HMH1	0	0	0	1
STK32A	0	0	0	1
JAKMIP2-AS1	0	0	0	1
SCGB3A2	0	0	0	1
SPINK5	0	0	0	1
SPINK14	0	0	0	1

SPINK6	0	0	0	1
SPINK13	0	0	0	1
SPINK7	0	0	0	1
SPINK9	0	0	0	1
CDX1	0	0	0	1
GRIA1	0	0	0	1
SGCD	0	0	0	1
ITK	0	0	0	1
NIPAL4	0	0	0	1
C5orf52	0	0	0	1
ADRA1B	0	0	0	1
MIR3142	0	0	0	1
MIR146A	0	0	0	1
GABRA6	0	0	0	1
GABRA1	0	0	0	1
GABRG2	0	0	0	1
MIR103B1	0	0	0	1
DOCK2	0	0	0	1
MIR378E	0	0	0	1
FOX11	0	0	0	1
C5orf58	0	0	0	1
KCNIP1	0	0	0	1
GABRP	0	0	0	1
TLX3	0	0	0	1
C5orf47	0	0	0	1
HMP19	0	0	0	1
HRH2	0	0.0141827	inf	1
CPLX2	0	0.0103409	inf	1
FAM153B	0	0	0	1
LOC100507387	0	0	0	1
EIF4E1B	0	0	0	1
ZNF879	0	0	0	1
ZNF354C	0	0	0	1
LINC00847	0	0.00669437	inf	1
BTNL3	0	0	0	1
OR2V2	0	0	0	1
LOC100132062,LI	0	0.00883827	inf	1
OR4F3	0	0	0	1
MIR4456	0	0	0	1
LOC100506688	0	0.0105689	inf	1
MIR4635	0	0	0	1
MIR4457	0	0	0	1
MIR4277	0	0	0	1
IRX4	0	0	0	1
LOC285577	0	0	0	1
MIR4278	0	0	0	1
MIR4454	0	0	0	1
C5orf49	0	0	0	1
LOC729506	0	0	0	1

MIR4636	0	0	0	1
TAS2R1	0	0	0	1
LOC285692	0	0	0	1
CTNND2	0	0	0	1
MIR4637	0	0	0	1
MARCH11	0	0	0	1
LOC285696	0	0	0	1
LOC401177	0	0	0	1
CDH18	0	0	0	1
CDH10	0	0.00229125	inf	1
LOC340107	0	0	0	1
CDH9	0	0	0	1
MIR4279	0	0	0	1
ADAMTS12	0	0	0	1
PRLR	0	0	0	1
CAPSL	0	0	0	1
UGT3A1	0	0	0	1
UGT3A2	0	0	0	1
MIR580	0	0	0	1
EGFLAM-AS4	0	0	0	1
LIFR	0	0.00084238	inf	1
MIR3650	0	0	0	1
FYB	0	0	0	1
C9	0	0	0	1
SNORD72	0	0	0	1
MROH2B	0	0	0	1
C6	0	0	0	1
PLCXD3	0	0	0	1
CCL28	0	0	0	1
LOC100652772	0	0	0	1
FGF10	0	0	0	1
HCN1	0	0	0	1
MIR581	0	0	0	1
ESM1	0	0.00491424	inf	1
MIR449A	0	0	0	1
MIR449B	0	0	0	1
MIR449C	0	0	0	1
MIR5687	0	0	0	1
ANKRD55	0	0	0	1
ACTBL2	0	0	0	1
HTR1A	0	0	0	1
CD180	0	0	0	1
ZNF366	0	0	0	1
OTP	0	0	0	1
LOC644936	0	0	0	1
ANKRD34B	0	0	0	1
ACOT12	0	0	0	1
HAPLN1	0	0.00186663	inf	1
EDIL3	0	0	0	1

MIR4280	0	0	0	1
LINC00461,MIR9-	0	0	0	1
MIR3660	0	0	0	1
LIX1	0	0	0	1
LOC100133050	0	0	0	1
SLCO4C1	0	0	0	1
SLCO6A1	0	0	0	1
TSSK1B	0	0	0	1
MGC32805	0	0	0	1
ZNF608	0	0.00156183	inf	1
FBN2	0	0	0	1
MIR4460	0	0	0	1
MIR3936	0	0	0	1
MIR1289-2	0	0	0	1
LOC340073	0	0	0	1
C5orf20	0	0	0	1
TIFAB	0	0	0	1
NEUROG1	0	0	0	1
CXCL14	0	0	0	1
LOC340074	0	0.00461628	inf	1
IL9	0	0	0	1
LECT2	0	0	0	1
VTRNA2-1	0	0	0	1
TRPC7	0	0.00529271	inf	1
KLHL3	0	0.00137013	inf	1
MIR874	0	0	0	1
SNORD63	0	0	0	1
NRG2	0	0	0	1
LOC729080	0	0	0	1
ARHGAP26-AS1	0	0	0	1
NR3C1	0	0	0	1
GRXCR2	0	0	0	1
GPR151	0	0	0	1
PPP2R2B	0	0	0	1
PPP2R2B-IT1	0	0	0	1
DPYSL3	0	0.00178345	inf	1
JAKMIP2	0	0	0	1
C5orf46	0	0	0	1
HTR4	0	0	0	1
CAMK2A	0	0	0	1
ZNF300P1	0	0.00304131	inf	1
SLC36A3	0	0	0	1
SPARC	0	0	0	1
GLRA1	0	0	0	1
NMUR2	0	0	0	1
HAND1	0	0	0	1
MIR3141	0	0	0	1
TIMD4	0	0	0	1
HAVCR1	0	0	0	1

FAM71B	0	0	0	1
FNDC9	0	0.0107472	inf	1
IL12B	0	0	0	1
LOC285627	0	0	0	1
ATP10B	0	0	0	1
LOC285629	0	0	0	1
GABRB2	0	0	0	1
MIR103A1	0	0	0	1
SLIT3	0	0	0	1
MIR218-2	0	0	0	1
MIR585	0	0	0	1
FAM196B	0	0	0	1
LCP2	0	0	0	1
KCNMB1	0	0	0	1
MIR3912	0	0	0	1
STC2	0	0.00225893	inf	1
FLJ16171	0	0	0	1
DRD1	0	0	0	1
SNCB	0	0	0	1
MIR4281	0	0	0	1
PFN3	0	0	0	1
FAM153A	0	0	0	1
MIR1229	0	0	0	1
MIR340	0	0	0	1
RASGEF1C	0	0.00788478	inf	1
SCGB3A1	0	0	0	1
OR2Y1	0	0	0	1
OR2V1	0	0	0	1
MIR4638	0	0	0	1
SNORD96A	0	0	0	1
FOXQ1	0	0	0	1
FOXF2	0	0	0	1
FAM50B	0	0	0	1
PPP1R3G	0	0	0	1
LY86	0	0	0	1
MIR5689	0	0	0	1
ELOVL2-AS1	0	0	0	1
TMEM170B	0	0	0	1
RNF182	0	0	0	1
MIR4639	0	0	0	1
STMND1	0	0	0	1
RBM24	0	0	0	1
MIR548A1	0	0	0	1
ID4	0	0	0	1
LINC00340	0	0	0	1
HDGFL1	0	0	0	1
SCGN	0	0	0	1
HIST1H2BA	0	0	0	1
HIST1H2APS1	0	0	0	1

SLC17A4	0	0	0	1
HIST1H3C	0	0	0	1
HIST1H4F	0	0	0	1
BTN1A1	0	0	0	1
MIR3143	0	0	0	1
HIST1H2AL	0	0.126462	inf	1
GPX5	0	0	0	1
LOC100129636	0	0	0	1
OR2J3	0	0	0	1
OR2J2	0	0	0	1
OR14J1	0	0	0	1
OR12D2	0	0	0	1
OR10C1	0	0	0	1
LOC100507362	0	0	0	1
SNORD32B	0	0	0	1
MOG	0	0	0	1
TRIM15	0	0	0	1
MIR877	0	0	0	1
MIR4640	0	0	0	1
DPCR1	0	0	0	1
MUC21	0	0	0	1
MUC22	0	0	0	1
HCG22	0	0	0	1
HCG26	0	0.0287408	inf	1
TNF	0	0.0234888	inf	1
AIF1	0	0	0	1
LY6G6F	0	0.0188607	inf	1
LY6G6D	0	0	0	1
SNORD48	0	0	0	1
SNORD52	0	0	0	1
CFB	0	0.0183977	inf	1
STK19	0	0	0	1
HCG23	0	0	0	1
HLA-DRA	0	0	0	1
HLA-DQA1	0	0	0	1
HLA-DQA2	0	0	0	1
HLA-DPB1	0	0	0	1
HLA-DPB2	0	0	0	1
MIR219-1	0	0	0	1
CLPSL2	0	0	0	1
CLPSL1	0	0	0	1
PI16	0	0	0	1
FGD2	0	0	0	1
DNAH8	0	0	0	1
GLP1R	0	0	0	1
DAAM2	0	0	0	1
TDRG1	0	0	0	1
TSPO2	0	0	0	1
TREML4	0	0	0	1

TREML5P	0	0	0	1
NCR2	0	0	0	1
MIR4641	0	0	0	1
ATP6V0CP3	0	0	0	1
PTCRA	0	0.0320465	inf	1
SLC22A7	0	0	0	1
SPATS1	0	0	0	1
MIR4642	0	0	0	1
ANKRD66	0	0	0	1
MEP1A	0	0	0	1
GPR111	0	0	0	1
OPN5	0	0	0	1
GLYATL3	0	0	0	1
TFAP2D	0	0	0	1
TFAP2B	0	0	0	1
MIR206	0	0	0	1
MIR133B	0	0	0	1
IL17A	0	0	0	1
MIR5685	0	0	0	1
MLIP-IT1	0	0	0	1
TINAG	0	0	0	1
HCRTR2	0	0	0	1
BEND6	0	0	0	1
SLC25A51P1	0	0	0	1
BAI3	0	0	0	1
COL19A1	0	0	0	1
FAM135A	0	0	0	1
KCNQ5	0	0.00139899	inf	1
KHDC3L	0	0	0	1
RNY4	0	0	0	1
PRSS35	0	0	0	1
RIPPLY2	0	0	0	1
HTR1E	0	0	0	1
SPACA1	0	0	0	1
GJA10	0	0	0	1
MIR4464	0	0	0	1
MIR4643	0	0	0	1
FUT9	0	0	0	1
FHL5	0	0	0	1
MIR2113	0	0	0	1
POU3F2	0	0.00324993	inf	1
PRDM13	0	0	0	1
LOC728012	0	0	0	1
LIN28B	0	0	0	1
BVES-AS1	0	0	0	1
CCDC162P	0	0	0	1
GPR6	0	0	0	1
RFPL4B	0	0	0	1
FLJ34503	0	0	0	1

FAM26F	0	0.027116	inf	1
FAM26E	0	0	0	1
FAM26D	0	0	0	1
RFX6	0	0	0	1
VGLL2	0	0	0	1
LOC100287632	0	0	0	1
GJA1	0	0.00932991	inf	1
FABP7	0	0	0	1
CLVS2	0	0	0	1
NKAIN2	0	0	0	1
LOC643623	0	0.00604305	inf	1
HEY2	0	0	0	1
RSPO3	0	0	0	1
TMEM200A	0	0	0	1
LOC100507254	0	0	0	1
TAAR9	0	0	0	1
TAAR8	0	0	0	1
TAAR6	0	0	0	1
SNORD101	0	0	0	1
LINC00326	0	0	0	1
EYA4	0	0	0	1
MGC34034	0	0	0	1
TCF21	0	0	0	1
LOC154092	0	0	0	1
LINC00271	0	0	0	1
LOC100132735	0	0	0	1
MIR3668	0	0	0	1
MIR4465	0	0	0	1
ZC2HC1B	0	0	0	1
RAB32	0	0	0	1
ADGB	0	0	0	1
PPP1R14C	0	0	0	1
IYD	0	0	0	1
PLEKHG1	0	0	0	1
ESR1	0	0.0017624	inf	1
OPRM1	0	0	0	1
MIR3692	0	0	0	1
SYNJ2-IT1	0	0	0	1
FNDC1	0	0	0	1
MAS1	0	0	0	1
LINC00602	0	0	0	1
TCP10L2	0	0	0	1
UNC93A	0	0	0	1
TTLL2	0	0	0	1
KIF25	0	0	0	1
MIR4644	0	0	0	1
LOC285768	0	0	0	1
MIR4645	0	0	0	1
LOC100507194	0	0	0	1

PXDC1	0	0	0	1
FAM217A	0	0	0	1
MIR3691	0	0	0	1
F13A1	0	0	0	1
LY86-AS1	0	0	0	1
SCARNA27	0	0	0	1
GCM2	0	0	0	1
NHLRC1	0	0	0	1
LOC729177	0	0	0	1
PRL	0	0	0	1
CMAHP	0	0	0	1
HIST1H2AA	0	0	0	1
SLC17A1	0	0	0	1
SLC17A3	0	0	0	1
SLC17A2	0	0	0	1
HIST1H1A	0	0	0	1
HIST1H2BB	0	0	0	1
HIST1H1T	0	0	0	1
HIST1H4G	0	0	0	1
POM121L2	0	0	0	1
HIST1H1B	0	0.0544135	inf	1
HIST1H4L	0	0	0	1
OR2B2	0	0	0	1
ZSCAN23	0	0	0	1
GPX6	0	0	0	1
ZNF311	0	0	0	1
OR2W1	0	0	0	1
OR2B3	0	0	0	1
OR5V1	0	0	0	1
OR12D3	0	0	0	1
OR11A1	0	0	0	1
MAS1L	0	0	0	1
ZFP57	0	0	0	1
HCG4	0	0	0	1
TRIM10	0	0	0	1
SFTA2	0	0	0	1
PSORS1C3	0	0	0	1
SNORD84	0	0	0	1
LTB	0	0.0232792	inf	1
NCR3	0	0	0	1
MIR4646	0	0	0	1
LY6G6E	0	0	0	1
MIR1236	0	0	0	1
TNXB	0	0	0	1
C6orf10	0	0	0	1
BTNL2	0	0	0	1
HLA-DQB1	0	0	0	1
HLA-DQB2	0	0	0	1
HLA-DOA	0	0	0	1

IP6K3	0	0	0	1
MLN	0	0	0	1
LOC100507584	0	0.00279482	inf	1
MIR1275	0	0	0	1
GRM4	0	0	0	1
MIR5690	0	0	0	1
CLPS	0	0	0	1
C6orf222	0	0	0	1
ETV7	0	0	0	1
MIR3925	0	0	0	1
MIR4462	0	0	0	1
MDGA1	0	0	0	1
LOC100131047	0	0	0	1
KCNK17	0	0	0	1
KCNK16	0	0	0	1
KIF6	0	0	0	1
MOCS1	0	0	0	1
FLJ41649	0	0	0	1
LRFN2	0	0	0	1
TREML1	0	0	0	1
TREML2	0	0	0	1
TREML3P	0	0	0	1
PGC	0	0	0	1
MIR586	0	0	0	1
CLIC5	0	0.00173019	inf	1
PLA2G7	0	0	0	1
GPR116	0	0	0	1
GPR110	0	0	0	1
RHAG	0	0	0	1
CRISP2	0	0	0	1
CRISP3	0	0	0	1
PGK2	0	0	0	1
CRISP1	0	0	0	1
DEFB133	0	0	0	1
DEFB114	0	0	0	1
DEFB113	0	0	0	1
DEFB110	0	0	0	1
DEFB112	0	0	0	1
PKHD1	0	0	0	1
GSTA7P	0	0	0	1
GSTA2	0	0	0	1
GSTA1	0	0	0	1
GSTA5	0	0	0	1
GSTA3	0	0	0	1
ELOVL5	0	0	0	1
RPS16P5	0	0	0	1
HMGCLL1	0	0	0	1
BMP5	0	0	0	1
COL21A1	0	0	0	1

RNU6-71	0	0	0	1
KHDRBS2	0	0	0	1
COL9A1	0	0	0	1
MIR30C2	0	0	0	1
MIR30A	0	0	0	1
MIR4282	0	0	0	1
KCNQ5-AS1	0	0	0	1
KHDC1L	0	0	0	1
KHDC1	0	0	0	1
DPPA5	0	0	0	1
IMPG1	0	0	0	1
HTR1B	0	0	0	1
C6orf7	0	0	0	1
ELOVL4	0	0	0	1
ME1	0	0	0	1
SNAP91	0	0	0	1
TBX18	0	0	0	1
SNORD50B	0	0	0	1
CGA	0	0	0	1
CNR1	0	0	0	1
GABRR1	0	0	0	1
GABRR2	0	0.0244928	inf	1
RRAGD	0	0	0	1
EPHA7	0	0	0	1
MIR548H3	0	0	0	1
MCHR2	0	0	0	1
LINC00577	0	0	0	1
POPDC3	0	0.00652438	inf	1
LOC100422737	0	0	0	1
SCML4	0	0	0	1
METTL24	0	0.0120988	inf	1
DDO	0	0.00745618	inf	1
SLC22A16	0	0	0	1
HS3ST5	0	0	0	1
BET3L	0	0	0	1
FAM162B	0	0	0	1
GPRC6A	0	0	0	1
ROS1	0	0	0	1
FAM184A	0	0	0	1
MIR548B	0	0	0	1
LOC285762	0	0	0	1
TRDN	0	0	0	1
MIR5695	0	0	0	1
THEMIS	0	0.00250013	inf	1
TMEM244	0	0	0	1
SAMD3	0	0.00475754	inf	1
MOXD1	0	0	0	1
TAAR5	0	0	0	1
TAAR3	0	0	0	1

TAAR2	0	0	0	1
TAAR1	0	0	0	1
VNN1	0	0	0	1
VNN3	0	0	0	1
VNN2	0	0	0	1
MIR3662	0	0	0	1
IL22RA2	0	0	0	1
OLIG3	0	0	0	1
MIR3145	0	0	0	1
LOC645434	0	0	0	1
NMBR	0	0.0119814	inf	1
LOC153910	0	0	0	1
LOC729176	0	0.00776833	inf	1
LOC100128176	0	0.00405755	inf	1
IPCEF1	0	0.00264971	inf	1
NOX3	0	0	0	1
MIR4466	0	0	0	1
MIR3918	0	0	0	1
TAGAP	0	0.00763452	inf	1
SLC22A2	0	0	0	1
PACRG-AS1	0	0	0	1
DKFZp451B082	0	0	0	1
CAHM	0	0	0	1
C6orf118	0	0	0	1
PDE10A	0	0	0	1
LINC00473	0	0	0	1
T	0	0	0	1
PRR18	0	0.035195	inf	1
RPS6KA2-IT1	0	0	0	1
MIR1913	0	0	0	1
MIR3939	0	0	0	1
GPR31	0	0	0	1
TCP10	0	0	0	1
HGC6.3	0	0	0	1
FRMD1	0	0	0	1
DACT2	0	0	0	1
LOC154449	0	0	0	1
FAM20C	0	0	0	1
LOC100288524	0	0	0	1
LOC442497	0	0	0	1
UNCX	0	0	0	1
SDK1	0	0	0	1
NXPH1	0	0	0	1
PER4	0	0	0	1
LOC100506025	0	0.00462733	inf	1
LRRC72	0	0	0	1
MACC1-AS1	0	0	0	1
ABCB5	0	0	0	1
LOC100506178	0	0	0	1

IL6	0	0	0	1
NPY	0	0	0	1
C7orf71	0	0.00553307	inf	1
EVX1	0	0	0	1
LOC100506497	0	0	0	1
WIPF3	0	0	0	1
MIR550A1	0	0	0	1
GHRHR	0	0	0	1
CCDC129	0	0	0	1
PPP1R17	0	0	0	1
NPSR1	0	0	0	1
LOC401324	0	0	0	1
GPR141	0	0	0	1
NME8	0	0	0	1
EPDR1	0	0	0	1
POU6F2	0	0	0	1
INHBA-AS1	0	0	0	1
MIR3943	0	0	0	1
MIR4649	0	0	0	1
RAMP3	0	0	0	1
IGFBP1	0	0	0	1
C7orf65	0	0	0	1
LINC00525	0	0	0	1
C7orf69	0	0	0	1
CDC14C	0	0.00346295	inf	1
VWC2	0	0	0	1
C7orf72	0	0	0	1
IKZF1	0	0	0	1
LOC100129427	0	0	0	1
POM121L12	0	0	0	1
VSTM2A	0	0	0	1
LOC285878	0	0	0	1
DKFZp434L192	0	0	0	1
MIR3147	0	0	0	1
ZNF716	0	0	0	1
LOC100287704	0	0	0	1
MIR4283-2	0	0	0	1
ZNF727	0	0	0	1
ZNF735	0	0	0	1
ZNF679	0	0	0	1
ZNF736	0	0	0	1
LOC641746	0	0	0	1
WBSCR17	0	0.00414526	inf	1
MIR3914-2	0	0	0	1
MIR4650-1	0	0	0	1
PMS2L2	0	0	0	1
NCF1B	0	0.0128584	inf	1
FZD9	0	0	0	1
MIR4284	0	0	0	1

MIR590	0	0	0	1
GATSL1	0	0	0	1
SPDYE8P	0	0	0	1
SPDYE8P	0	0	0	1
MIR4651	0	0	0	1
SNORA14A	0	0	0	1
RPL13AP17	0	0	0	1
MAGI2-AS2	0	0	0	1
MIR548M	0	0	0	1
CD36	0	0	0	1
ZNF804B	0	0	0	1
MIR4652	0	0	0	1
GNGT1	0	0	0	1
GNG11	0	0	0	1
COL1A2	0	0	0	1
PEG10	0	0	0	1
DLX6	0	0	0	1
TAC1	0	0	0	1
NPTX2	0	0	0	1
MIR3609	0	0	0	1
AZGP1P1	0	0	0	1
ZAN	0	0	0	1
MUC17	0	0	0	1
MIR4653	0	0	0	1
MIR4285	0	0	0	1
MIR4467	0	0	0	1
SPDYE2L	0	0	0	1
LHFPL3	0	0.0031897 inf		1
PIK3CG	0	0	0	1
PRKAR2B	0	0.0023042 inf		1
FOXP2	0	0	0	1
MIR3666	0	0	0	1
MDFIC	0	0	0	1
ANKRD7	0	0	0	1
KCND2	0	0	0	1
PTPRZ1	0	0.00327052 inf		1
ASB15	0	0	0	1
HYALP1	0	0	0	1
HYAL4	0	0	0	1
SPAM1	0	0	0	1
MIR593	0	0	0	1
MIR129-1	0	0	0	1
CPA5	0	0	0	1
CPA1	0	0	0	1
MIR335	0	0	0	1
FLJ40288	0	0	0	1
AKR1B10	0	0.0110074 inf		1
STRA8	0	0	0	1
CHRM2	0	0	0	1

MIR490	0	0	0	1
AKR1D1	0	0.00352269	inf	1
MIR4468	0	0	0	1
TMEM213	0	0.00323753	inf	1
CLEC2L	0	0	0	1
OR9A4	0	0	0	1
LOC93432	0	0	0	1
PRSS2	0	0	0	1
C7orf34	0	0	0	1
OR6V1	0	0	0	1
PIP	0	0	0	1
TAS2R39	0	0	0	1
TAS2R40	0	0	0	1
TAS2R60	0	0	0	1
TAS2R41	0	0	0	1
OR2F2	0	0	0	1
OR2F1	0	0	0	1
OR6B1	0	0	0	1
OR2A5	0	0	0	1
OR2A25	0	0	0	1
OR2A12	0	0.0146383	inf	1
OR2A2	0	0	0	1
OR2A14	0	0	0	1
OR2A20P,OR2A9	0	0	0	1
RNU6-57	0	0	0	1
MIR548AQ	0	0	0	1
MIR548F3	0	0	0	1
MIR548T	0	0	0	1
C7orf33	0	0	0	1
KRBA1	0	0	0	1
RNU6-33	0	0	0	1
LOC285972	0	0	0	1
GIMAP7	0	0	0	1
GIMAP4	0	0	0	1
GIMAP1,GIMAP1-	0	0.00283251	inf	1
TMEM176A	0	0	0	1
ABP1	0	0.0110206	inf	1
WDR86-AS1	0	0	0	1
GALNTL5	0	0	0	1
HTR5A	0	0	0	1
LOC100506585	0	0	0	1
MIR5707	0	0	0	1
LINC00689	0	0	0	1
MIR339	0	25.9123	inf	1
MIR4655	0	0	0	1
CARD11	0	0	0	1
MIR4656	0	0	0	1
RADIL	0	0	0	1
PAPOLB	0	0	0	1

MMD2	0	0	0	1
MIR589	0	0	0	1
RNF216-IT1	0	0	0	1
COL28A1	0	0	0	1
THSD7A	0	0	0	1
VWDE	0	0	0	1
DGKB	0	0	0	1
AGMO	0	0	0	1
MEOX2	0	0	0	1
SOSTDC1	0	0	0	1
AGR2	0	0	0	1
AGR3	0	0	0	1
PRPS1L1	0	0	0	1
TWIST1	0	0	0	1
FERD3L	0	0	0	1
MIR3146	0	0	0	1
TMEM196	0	0	0	1
CLK2P	0	0	0	1
NPVF	0	0	0	1
RNU6-16	0	0	0	1
MIR148A	0	0	0	1
KIAA0087	0	0.0022839 inf		1
MIR196B	0	0	0	1
TRIL	0	0	0	1
MIR550A3	0	0	0	1
NEUROD6	0	0	0	1
PDE1C	0	0	0	1
LOC100130673	0	0	0	1
MIR550B2	0	0	0	1
NPSR1-AS1	0	0	0	1
DPY19L2P1	0	0	0	1
TBX20	0	0	0	1
AOAH	0	0	0	1
AOAH-IT1	0	0	0	1
ELMO1	0	0	0	1
MIR1200	0	0	0	1
SFRP4	0	0	0	1
TARP	0	0	0	1
AMPH	0	0	0	1
POU6F2-AS1	0	0	0	1
GLI3	0	0	0	1
MYL7	0	0	0	1
GCK	0	0	0	1
SNORA5B	0	0	0	1
IGFBP3	0	0	0	1
TNS3	0	0	0	1
ZPBP	0	0	0	1
FLJ45974	0	0	0	1
HPVC1	0	0	0	1

NUPR1L	0	0	0	1
LOC650226	0	0	0	1
LOC100130849	0	0	0	1
MIR4283-2	0	0	0	1
GUSBP10	0	0	0	1
LOC100287834	0	0	0	1
LOC100506050	0	0	0	1
MIR4650-1	0	0	0	1
MIR3914-1	0	0	0	1
LOC100093631	0	0.00327525	inf	1
PMS2L2	0	0	0	1
CCL24	0	0	0	1
MIR548AU	0	0	0	1
GNAT3	0	0	0	1
ABCB1	0	0	0	1
C7orf62	0	0	0	1
MTERF	0	0	0	1
MIR653	0	0	0	1
MIR489	0	0	0	1
TFPI2	0	0	0	1
SGCE	0	0	0	1
MIR591	0	0	0	1
C7orf76	0	0	0	1
DLX6-AS1	0	0	0	1
DLX5	0	0	0	1
OCM2	0	0	0	1
OR2AE1	0	0.01241	inf	1
MIR25	0	0	0	1
MIR93	0	82.8847	inf	1
MIR106B	0	0	0	1
ACTL6B	0	0.0103393	inf	1
MYL10	0	0	0	1
SLC26A5	0	0	0	1
LHFPL3-AS1	0	0	0	1
LHFPL3-AS2	0	0	0	1
SLC26A4-AS1	0	0	0	1
SLC26A3	0	0.00683504	inf	1
LAMB4	0	0	0	1
NRCAM	0	0	0	1
C7orf66	0	0	0	1
EIF3IP1	0	0	0	1
PPP1R3A	0	0	0	1
TFEC	0	0	0	1
ST7-AS2	0	0.023718	inf	1
WNT2	0	0	0	1
ASZ1	0	0.00304636	inf	1
TAS2R16	0	0	0	1
TMEM229A	0	0	0	1
GPR37	0	0	0	1

LOC154872	0	0	0	1
MIR592	0	0	0	1
PAX4	0	0	0	1
MIR182	0	0	0	1
MIR96	0	0	0	1
MIR183	0	0	0	1
KLF14	0	0	0	1
MIR29A	0	0	0	1
MIR29B1	0	0	0	1
FAM180A	0	0	0	1
LOC349160	0	0.0066852	inf	1
SVOPL	0	0	0	1
KLRG2	0	0	0	1
PRSS37	0	0.0109882	inf	1
CLEC5A	0	0	0	1
TAS2R38	0	0	0	1
MOXD2P	0	0	0	1
PRSS58	0	0	0	1
LOC730441	0	0	0	1
OR9A2	0	0	0	1
EPHA1	0	0.00811966	inf	1
RNU6-57	0	0	0	1
OR2A20P,OR2A9	0	0	0	1
NOBOX	0	0	0	1
MIR548I4	0	0	0	1
MIR548F4	0	0	0	1
ATP6V0E2-AS1	0	0	0	1
RARRES2	0	0.02527	inf	1
GBX1	0	0	0	1
ASB10	0	0	0	1
WDR86	0	0	0	1
CRYGN	0	0.0270731	inf	1
MIR3907	0	0	0	1
LOC100128264	0	0	0	1
CNPY1	0	0	0	1
SHH	0	0	0	1
LOC285889	0	0.00420534	inf	1
MIR153-2	0	0	0	1
MIR595	0	0	0	1
VIPR2	0	0.00405814	inf	1
ERICH1-AS1	0	0	0	1
DLGAP2	0	0	0	1
MIR596	0	0	0	1
MIR4659A	0	0	0	1
LOC100652791	0	0	0	1
DEFB109P1B	0	0	0	1
USP17L1P	0	0	0	1
USP17L4	0	0	0	1
DEFB105B	0	0	0	1

DEFB107A	0	0	0	1
DEFB106B	0	0	0	1
DEFB104B	0	0	0	1
SPAG11A,SPAG1	0	0	0	1
DEFB103A,DEFB	0	0	0	1
DEFB4A	0	0.0738628	inf	1
ZNF705B	0	0	0	1
FAM66E	0	0	0	1
MIR4660	0	0	0	1
MIR597	0	0	0	1
PRSS55	0	0	0	1
C8orf74	0	0	0	1
LINC00208	0	0	0	1
DEFB135	0	0	0	1
FAM66D	0	0	0	1
FAM66A	0	0	0	1
MIR3926-2	0	0	0	1
TUSC3	0	0	0	1
EFHA2	0	0	0	1
LPL	0	0	0	1
LZTS1-AS1	0	0	0	1
LOC286114	0	0	0	1
ADAM28	0	0	0	1
ADAMDEC1	0	0	0	1
ADAM7	0	0	0	1
NEFM	0	0	0	1
MIR3622A	0	0	0	1
PNOC	0	0	0	1
LOC286135	0	0	0	1
SMIM18	0	0	0	1
NRG1	0	0	0	1
NRG1-IT3	0	0	0	1
UNC5D	0	0.00139649	inf	1
KCNU1	0	0	0	1
LOC100130964	0	0	0	1
ADAM18	0	0	0	1
IDO2	0	0	0	1
C8orf4	0	0	0	1
CHRN3	0	0	0	1
POTEA	0	0	0	1
LINC00293	0	0	0	1
C8orf22	0	0	0	1
SNTG1	0	0	0	1
NPBWR1	0	0	0	1
RP1	0	0	0	1
XKR4	0	0	0	1
LOC100507651	0	0	0	1
LOC286177	0	0	0	1
LINC00588	0	0	0	1

SDCBP	64.506	70.1229	0	1
MIR4470	0	0	0	1
NKAIN3	0	0	0	1
UG0898H09	0	0	0	1
LOC286184	0	0.00268057 inf		1
LOC100130155	0	0	0	1
MIR124-2	0	0	0	1
BHLHE22	0	0	0	1
LOC100505659	0	0	0	1
C8orf34	0	0	0	1
LOC100132891	0	0	0	1
RNU6-83	0	0	0	1
KCNB2	0	0	0	1
MIR5681A	0	0	0	1
FLJ39080	0	0	0	1
MIR2052	0	0	0	1
CRISPLD1	0	0	0	1
PKIA	0	0	0	1
STMN2	0	0	0	1
MIR5708	0	0	0	1
ZBTB10	0	0	0	1
RALYL	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
CNBD1	0	0	0	1
LINC00534	0	0	0	1
MIR4661	0	0	0	1
MIR3150A	0	0	0	1
MIR4471	0	0	0	1
NACAP1	0	0.0165973 inf		1
GRHL2	0	0	0	1
MIR5680	0	0	0	1
ODF1	0	0	0	1
MIR3151	0	0	0	1
RIMS2	0	0	0	1
DCSTAMP	0	0	0	1
PKHD1L1	0	0	0	1
MIR2053	0	0	0	1
AARD	0	0	0	1
SLC30A8	0	0	0	1
MAL2	0	0.00329034 inf		1
COL14A1	0	0.0015484 inf		1
FER1L6	0	0	0	1
LOC157381	0	0	0	1
MIR1204	0	0	0	1
MIR1205	0	0	0	1
MIR1206	0	0	0	1
MIR1207	0	0	0	1
MIR1208	0	0	0	1

WISP1	0	0	0	1
LOC286094	0	0	0	1
KHDRBS3	0	0	0	1
LOC731779	0	0	0	1
MIR4472-1	0	0	0	1
LINC00051	0	0	0	1
GML	0	0	0	1
SCXB	0	0	0	1
FAM203A	0	0	0	1
SCXA	0	0	0	1
OR4F21	0	0	0	1
LOC286083	0	0	0	1
CSMD1	0	0	0	1
MIR4659B	0	0	0	1
XKR5	0	0	0	1
DEFB1	0	0	0	1
DEFA6	0	0	0	1
DEFA4	0	0	0	1
DEFA8P	0	0	0	1
DEFA9P	0	0	0	1
DEFA10P	0	0	0	1
DEFA1B	0	0	0	1
DEFT1P2	0	0	0	1
DEFA1	0	0	0	1
DEFT1P2	0	0	0	1
DEFA1	0	0	0	1
DEFA11P	0	0	0	1
DEFA5	0	0.141592 inf		1
LOC349196	0	0	0	1
LOC349196	0	0	0	1
LOC349196	0	0	0	1
FAM66B	0	0	0	1
ZNF705G	0	0	0	1
DEFB4B	0	0	0	1
DEFB103A,DEFB	0	0	0	1
SPAG11B	0	0	0	1
DEFB104A	0	0	0	1
DEFB106B	0	0	0	1
FAM90A7P	0	0	0	1
FAM90A7P	0	0	0	1
DEFB107B	0	0	0	1
DEFB105A	0	0	0	1
USP17L8	0	0	0	1
USP17L3	0	0	0	1
DEFB109P1B	0	0	0	1
MIR548I3	0	0	0	1
LINC00599	0	0	0	1
MIR124-1	0	0	0	1
MIR1322	0	0	0	1

MIR598	0	0	0	1
DEFB136	0	0	0	1
LOC100133267	0	0	0	1
LOC392196	0	0	0	1
USP17L7	0	0	0	1
USP17L2	0	0	0	1
DEFB130	0	0	0	1
LOC649352	0	0	0	1
DEFB109P1	0	0	0	1
MIR3926-1	0	0	0	1
LOC340357	0	0	0	1
MIR383	0	0	0	1
FGF20	0	0	0	1
FGL1	0	0	0	1
LOC100128993	0	0	0	1
SLC18A1	0	0	0	1
LZTS1	0	0.00245399	inf	1
GFRA2	0	0	0	1
DOK2	0	0	0	1
LGI3	0	0	0	1
MIR320A	0	0	0	1
PEBP4	0	0	0	1
NKX2-6	0	0	0	1
NEFL	0	0.00329666	inf	1
EBF2	0	0	0	1
STMN4	0	0.0104954	inf	1
CHRNA2	0	0	0	1
MIR3622B	0	0	0	1
SCARA5	0	0	0	1
MIR4287	0	0	0	1
MIR4288	0	0	0	1
LINC00589	0	0	0	1
MIR3148	0	0	0	1
MIR548O2	0	0	0	1
TEX15	0	0	0	1
PURG	0	0	0	1
DUSP26	0	0	0	1
GOT1L1	0	0	0	1
ADRB3	0	0	0	1
C8orf86	0	0	0	1
ADAM3A	0	0	0	1
ADAM2	0	0	0	1
ZMAT4	0	0	0	1
SFRP1	0	0	0	1
NKX6-3	0	0	0	1
MIR486	0	0	0	1
CHRNA6	0	0	0	1
EFCAB1	0	0	0	1
PXDNL	0	0	0	1

ST18	0	0	0	1
OPRK1	0	0	0	1
SBF1P1	0	0	0	1
SNORD54	0	0	0	1
MOS	0	0	0	1
SDR16C5	0	0	0	1
PENK	0	0	0	1
LOC100507632	0	0	0	1
CYP7A1	0	0	0	1
TOX	0	0	0	1
CA8	0	0	0	1
LOC401463	0	0	0	1
CYP7B1	0	0	0	1
LINC00251	0	0	0	1
CRH	0	0	0	1
PTTG3P	0	0	0	1
SNORD87	0	0	0	1
TCF24	0	0	0	1
PPP1R42	0	0.00955071 inf		1
CPA6	0	0	0	1
LOC286189	0	0	0	1
PRDM14	0	0	0	1
EYA1	0	0.00266097 inf		1
MSC	0	0	0	1
TRPA1	0	0	0	1
LOC392232	0	0	0	1
MIR5681B	0	0	0	1
ZFHx4-AS1	0	0	0	1
PMP2	0	0.00230708 inf		1
FABP9	0	0	0	1
FABP4	0	0	0	1
CA1	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L1	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L1	0	0.00170394 inf		1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
REXO1L2P	0	0	0	1
PSKH2	0	0	0	1
SLC7A13	0	0	0	1
CNGB3	0	0	0	1
DCAF4L2	0	0	0	1
MMP16	0	0	0	1
CALB1	0	0.00349591 inf		1
FLJ46284	0	0	0	1
C8orf87	0	0	0	1
MIR378D2	0	0	0	1

MIR3150B	0	0	0	1
C8orf69	0	0	0	1
LOC100500773	0	0	0	1
GDF6	0	0	0	1
TSPYL5	0	0	0	1
MIR599	0	0	0	1
MIR875	0	0	0	1
RGS22	0	0	0	1
C8orf56	0	0	0	1
ANGPT1	0	0	0	1
RSPO2	0	0.00295407	inf	1
KCNV1	0	0	0	1
TNFRSF11B	0	0.00444235	inf	1
ENPP2	0	0	0	1
MIR4663	0	0	0	1
KLHL38	0	0	0	1
ANXA13	0	0	0	1
FER1L6-AS1	0	0	0	1
LOC727677	0	0	0	1
LOC728724	0	0	0	1
GSDMC	0	0.00325767	inf	1
MIR5194	0	0	0	1
ADCY8	0	0	0	1
OC90	0	0	0	1
SLA	0	0	0	1
MIR30B	0	0	0	1
MIR30D	0	0	0	1
FAM135B	0	0	0	1
COL22A1	0	0	0	1
KCNK9	0	0	0	1
GPR20	0	0	0	1
MROH5	0	0	0	1
SLURP1	0	0	0	1
LYPD2	0	0	0	1
LYNX1	0	0	0	1
LY6D	0	0	0	1
CYP11B1	0	0	0	1
CYP11B2	0	0	0	1
LY6H	0	0	0	1
MIR4664	0	0	0	1
MIR661	0	0	0	1
DDX11L5	0	0	0	1
DMRT3	0	0	0	1
VLDLR	0	0.00288687	inf	1
GLIS3-AS1	0	0	0	1
MIR101-2	0	0	0	1
INSL4	0	0	0	1
PDCD1LG2	0	0.00341883	inf	1
MIR4665	0	0	0	1

IL33	0	0	0	1
TPD52L3	0	0	0	1
LINC00583	0	0	0	1
LOC389705	0	0	0	1
MIR3152	0	0	0	1
MIR491	0	0	0	1
IFNA8	0	0	0	1
C9orf53	0	0.0333951	inf	1
DMRTA1	0	0	0	1
FLJ35282	0	0	0	1
IFNK	0	0.00874614	inf	1
TMEM215	0	0	0	1
SPINK4	0	0	0	1
SNORD121B	0	0	0	1
LOC415056	0	0	0	1
MIR4667	0	0	0	1
HRCT1	0	0	0	1
RECK	0	0	0	1
GLIPR2	0	0	0	1
SPATA31A2	0	0	0	1
SPATA31A2	0	0	0	1
FAM74A1	0	0	0	1
SPATA31A3	0	0	0	1
FAM74A3	0	0	0	1
SPATA31A5	0	0	0	1
LOC643648	0	0	0	1
ANKRD20A2,ANK	0	0	0	1
FAM95B1	0	0	0	1
FOXD4L4	0	0	0	1
CNTNAP3B	0	0	0	1
LOC643648	0	0	0	1
FAM27A	0	0.0726929	inf	1
LOC643648	0	0	0	1
LOC100133920	0	0	0	1
C9orf135	0	0	0	1
TMC1	0	0	0	1
RORB	0	0	0	1
PCA3	0	0	0	1
FOXB2	0	0	0	1
SPATA31D5P	0	0	0	1
SPATA31D4	0	0	0	1
SPATA31D3	0	0	0	1
SPATA31D1	0	0	0	1
LOC100506834	0	0.00211589	inf	1
C9orf170	0	0	0	1
CTSL3P	0	0	0	1
CTSL1P8	0	0	0	1
SPATA31E1	0	0	0	1
SPATA31C1	0	0	0	1

MIR3153	0	0	0	1
UNQ6494	0	0	0	1
MIR3910-1	0	0	0	1
LINC00475	0	0	0	1
SUSD3	0	0	0	1
MIR4291	0	0	0	1
MIRLET7A1	0	0	0	1
MIRLET7F1	0	0	0	1
MIR2278	0	0	0	1
MIR23B	0	0	0	1
MIR27B	0	0	0	1
MIR24-1	0	0	0	1
LOC441455	0	0	0	1
FOXE1	0	0	0	1
COL15A1	0	0	0	1
LPPR1	0	0	0	1
CYLC2	0	0	0	1
OR13F1	0	0	0	1
OR13C8	0	0	0	1
OR13D1	0	0	0	1
ACTL7A	0	0	0	1
MUSK	0	0	0	1
MIR4668	0	0	0	1
BSPRY	0	0	0	1
MIR455	0	0	0	1
ORM2	0	0	0	1
DEC1	0	0	0	1
LOC100128505	0	0	0	1
TLR4	0	0	0	1
OR1J2	0	0	0	1
OR1J4	0	0	0	1
OR1N2	0	0	0	1
OR1L1	0	0	0	1
OR1L3	0	0	0	1
OR1L4	0	0	0	1
OR1L6	0	0	0	1
OR5C1	0	0	0	1
OR1K1	0	0.0205331	inf	1
GPR21	0	0.0140954	inf	1
LHX2	0	0.0209446	inf	1
GPR144	0	0	0	1
MIR181A2HG	0	0.0250915	inf	1
MIR181A2	0	0	0	1
MIR181B2	0	0	0	1
MIR2861,MIR396C	0	0	0	1
MIR2964A	0	0	0	1
C9orf106	0	0	0	1
PRRX2	0	0	0	1
SNORD62A	0	0	0	1

SNORD62B	0	0	0	1
GF11B	0	0	0	1
CELP	0	0	0	1
SNORD24	0	0	0	1
SNORD36B	0	0	0	1
SNORD36C	0	310.56 inf		1
DBH	0	0	0	1
MIR4669	0	0	0	1
FCN2	0	0	0	1
OLFM1	0	0	0	1
LOC401557	0	0	0	1
C9orf62	0	0	0	1
OBP2A	0	0	0	1
LOC100130954	0	0.0104012 inf		1
LCN9	0	0	0	1
MIR126	0	0	0	1
MIR4292	0	0	0	1
MIR4479	0	0	0	1
PTGDS	0	0.0211191 inf		1
LCNL1	0	0	0	1
MIR602	0	0	0	1
CACNA1B	0	0	0	1
FAM138C	0	0	0	1
INSL6	0	0	0	1
PTPRD	0	0	0	1
MPDZ	0	0	0	1
CER1	0	0	0	1
FREM1	0	0.000784716 inf		1
C9orf92	0	0	0	1
MIR4473	0	0	0	1
MIR4474	0	0	0	1
PTPLAD2	0	0.0214087 inf		1
IFNB1	0	0	0	1
IFNW1	0	0	0	1
IFNA21	0	0	0	1
IFNA4	0	0	0	1
IFNA7	0	0	0	1
IFNA10	0	0	0	1
IFNA16	0	0	0	1
IFNA17	0	0	0	1
IFNA14	0	0	0	1
IFNA22P	0	0	0	1
IFNA5	0	0.0178268 inf		1
IFNA6	0	0	0	1
IFNA13	0	0	0	1
IFNA2	0	0	0	1
MIR31	0	0	0	1
ELAVL2	0	0	0	1
IZUMO3	0	0	0	1

LINGO2	0	0	0	1
MIR876	0	0	0	1
MIR873	0	0	0	1
LOC401497	0	0	0	1
TAF1L	0	0	0	1
AQP7	0	0	0	1
SUGT1P1	0	0.0254164 inf		1
SNORD121A	0	0	0	1
CNTFR	0	0.0203119 inf		1
CCL27	0	0	0	1
CCL19	0	0	0	1
CCL21	0	0	0	1
FAM205A	0	0	0	1
FAM205B	0	0	0	1
SIT1	0	0	0	1
FAM221B	0	0	0	1
OR2S2	0	0	0	1
MIR4475	0	0	0	1
PAX5	0	0	0	1
MIR4540	0	0	0	1
MIR4476	0	0	0	1
IGFBPL1	0	0.00296427 inf		1
CNTNAP3	0	0	0	1
SPATA31A4	0	0	0	1
LOC653501,ZNF6	0	0	0	1
LOC286297	0	0	0	1
FAM95B1	0	0	0	1
ANKRD20A2,ANK	0	0	0	1
LOC642929	0	0	0	1
SPATA31A6	0	0	0	1
FAM74A2,FAM74,	0	0	0	1
SPATA31A5	0	0	0	1
LOC286297	0	0	0	1
FAM27B	0	0	0	1
FOXD4L5	0	0	0	1
FOXD4L4	0	0	0	1
PRKACG	0	0	0	1
BANCR	0	0	0	1
APBA1	0	0	0	1
LOC494558	0	0	0	1
LOC100507244	0	0.0178575 inf		1
MIR204	0	0	0	1
C9orf57	0	0	0	1
MIR548H3	0	0	0	1
VPS13A-AS1	0	0	0	1
MIR7-1	0	0	0	1
SLC28A3	0	0	0	1
LOC494127	0	0	0	1
LOC392364	0	0	0	1

SPATA31C2	0	0	0	1
LOC286238	0	0	0	1
MIR4289	0	0	0	1
LOC286370	0	0	0	1
MIR4290	0	0	0	1
LOC340515	0	0	0	1
DIRAS2	0	0	0	1
MIR3910-2	0	0	0	1
ROR2	0	0.00330066	inf	1
MIR4670	0	0	0	1
BARX1	0	0.0216714	inf	1
FBP1	0	0	0	1
MIR3074	0	0	0	1
LOC158434	0	0	0	1
LOC286359	0	0	0	1
HEMGN	0	0	0	1
PPP3R2	0	0	0	1
OR13C4	0	0	0	1
OR13C3	0	0	0	1
OR13C5	0	0	0	1
OR13C2	0	0	0	1
OR13C9	0	0	0	1
MIR548Q	0	0	0	1
MIR32	0	0	0	1
FRRS1L	0	0	0	1
TXNDC8	0	0	0	1
LPAR1	0	0	0	1
OR2K2	0	0	0	1
LRRC37A5P	0	0	0	1
AMBP	0	0.00997084	inf	1
LOC100505478	0	0	0	1
TNFSF8	0	0	0	1
LINC00474	0	0	0	1
SNORA70C	0	0	0	1
DBC1	0	0	0	1
MIR147A	0	0	0	1
MIR4478	0	0	0	1
LHX6	0	0	0	1
OR1J1	0	0	0	1
OR1N1	0	0	0	1
OR1L8	0	0	0	1
OR1B1	0	0	0	1
SNORD90	0	0	0	1
MIR601	0	0	0	1
MIR4672	0	0	0	1
MIR199B	0	0	0	1
MIR3154	0	0	0	1
MIR219-2	0	0	0	1
C9orf50	0	0	0	1

GBGT1	0	0	0	1
OBP2B	0	0	0	1
TMEM8C	0	0	0	1
FAM163B	0	0	0	1
MIR3689A,MIR3689B	0	0	0	1
MIR3689C	0	0	0	1
MIR3689D1	0	0	0	1
MIR3689B	0	0	0	1
MIR3689D2	0	0	0	1
MIR3689F	0	0	0	1
FCN1	0	0	0	1
GLT6D1	0	0	0	1
MIR4673	0	0	0	1
MIR4674	0	0	0	1
LCN6	0	0	0	1
LCN8	0	0	0	1
MIR3621	0	0	0	1
LINC00685	0	0	0	1
SHOX	0	0	0	1
CSF2RA	0	0	0	1
MIR3690	0	0	0	1
IL3RA	0	0	0	1
ASMTL-AS1	0	0	0	1
AKAP17A,ASMT	0	0	0	1
CD99P1	0	0	0	1
CD99	0	0	0	1
GYG2	0	0	0	1
ARSH	0	0	0	1
ARSF	0	0	0	1
CXorf28	0	0	0	1
MIR4767	0	0	0	1
VCX	0	0	0	1
MIR651	0	0	0	1
CLCN4	0	0	0	1
AMELX	0	0	0	1
FRMPD4	0	0	0	1
TLR8	0	0	0	1
LOC100093698	0	0	0	1
LOC100133123	0	0	0	1
EGFL6	0	0	0	1
GLRA2	0	0	0	1
BMX	0	0	0	1
S100G	0	0	0	1
MIR4768	0	0	0	1
CNKSR2	0	0	0	1
ZNF645	0	0	0	1
DDX53	0	0	0	1
PTCHD1	0	0	0	1
SUPT20HL1	0	0	0	1

MAGEB18	0	0	0	1
MAGEB6	0	0	0	1
MAGEB5	0	0	0	1
VENTXP1	0	0.00766719	inf	1
DCAF8L2	0	0	0	1
MAGEB10	0	0	0	1
IL1RAPL1	0	0	0	1
MAGEB3	0	0	0	1
MAGEB1,MAGEB	0	0	0	1
FAM47B	0	0	0	1
MAGEB16	0	0	0	1
CXorf22	0	0	0	1
CHDC2	0	0	0	1
FAM47C	0	0	0	1
CXorf27	0	0	0	1
SYTL5	0	0	0	1
MPC1L	0	0	0	1
GPR34	0	0.00585097	inf	1
DUSP21	0	0	0	1
RGN	0	0.00797118	inf	1
ZNF157	0	0	0	1
SNORA11C	0	0	0	1
MIR4769	0	0	0	1
CXXC1P1	0	0	0	1
SPACA5,SPACA5	0	0	0	1
SSX6	0	0	0	1
SPACA5,SPACA5	0	0	0	1
SSX1	0	0	0	1
SSX4B	0	0	0	1
GLOD5	0	0	0	1
GATA1	0	0	0	1
ERAS	0	0.0232859	inf	1
GAGE10	0	0.0249572	inf	1
GAGE12J	0	0	0	1
GAGE12D,GAGE	0	0	0	1
GAGE12D	0	0	0	1
GAGE12D,GAGE	0	0	0	1
GAGE12D,GAGE	0	0	0	1
GAGE12D	0	0	0	1
GAGE2A	0	0	0	1
GAGE1	0	0	0	1
PAGE4	0	0	0	1
MIR532	0	0	0	1
MIR188	0	0	0	1
MIR500A	0	0	0	1
MIR362	0	0	0	1
MIR501	0	0	0	1
MIR500B	0	0	0	1
MIR660	0	0	0	1

MIR502	0	0	0	1
BMP15	0	0	0	1
NUDT10	0	0	0	1
CENPVP2	0	0	0	1
MAGED4	0	0	0	1
XAGE2,XAGE2B	0	0	0	1
XAGE1C,XAGE1E	0	0	0	1
XAGE1B,XAGE1C	0	0	0	1
SSX8	0	0	0	1
SSX2,SSX2B	0	0	0	1
XAGE5	0	0	0	1
FAM156A,FAM15I	0	0	0	1
SNORA11	0	0	0	1
PAGE2	0	0	0	1
PAGE5	0	0.0251396	inf	1
MIR4536-1	0	0	0	1
MAGEH1	0	0	0	1
FOXR2	0	0	0	1
KLF8	0	0	0	1
MIR223	0	0	0	1
HEPH	0	0	0	1
AR	0	0	0	1
FAM155B	0	0	0	1
EDA	0	0	0	1
MIR676	0	0	0	1
OTUD6A	0	0.0325563	inf	1
AWAT1	0	0	0	1
GJB1	0	0	0	1
FLJ46446	0	0	0	1
CXorf49B	0	0	0	1
NHSL2	0	0.00353391	inf	1
FLJ44635	0	0	0	1
DMRTC1B	0	0	0	1
LINC00684	0	0	0	1
PABPC1L2B	0	0	0	1
CDX4	0	0	0	1
MIR374C	0	0	0	1
ZCCHC13	0	0	0	1
MAGEE1	0	0.00380378	inf	1
FGF16	0	0	0	1
LPAR4	0	0.00408348	inf	1
P2RY10	0	0	0	1
GPR174	0	0	0	1
TBX22	0	0	0	1
FAM46D	0	0	0	1
POU3F4	0	0	0	1
CYLC1	0	0	0	1
UBE2DNL	0	0	0	1
DACH2	0	0	0	1

KLHL4	0	0	0	1
CPXCR1	0	0	0	1
TGIF2LX	0	0	0	1
PABPC5	0	0	0	1
TNMD	0	0	0	1
ARL13A	0	0.00694237	inf	1
TMEM35	0	0.00529016	inf	1
NXF2B	0	0	0	1
TCEAL7	0	0	0	1
PLP1	0	0.00337953	inf	1
TMSB15B	0	0	0	1
H2BFXP	0	0	0	1
H2BFM	0	0	0	1
ZCCHC18	0	0.0111641	inf	1
IL1RAPL2	0	0	0	1
NRK	0	0	0	1
MUM1L1	0	0	0	1
RNF128	0	0	0	1
COL4A5	0	0.00266415	inf	1
MIR3978	0	0	0	1
TDGF1P3	0	0	0	1
PAK3	0	0	0	1
DKFZp686D0853	0	0	0	1
TRPC5OS	0	0	0	1
ZCCHC16	0	0	0	1
HTR2C	0	0	0	1
SNORA35	0	0	0	1
MIR764	0	0	0	1
MIR1912	0	0	0	1
MIR1264	0	0	0	1
MIR1298	0	0	0	1
MIR1911	0	0	0	1
MIR448	0	0	0	1
RBMXL3	0	0	0	1
AGTR2	0	0	0	1
SLC6A14	0	0	0	1
MIR1277	0	0	0	1
ZCCHC12	0	0.0047138	inf	1
RHOXF2B	0	0	0	1
ATP1B4	0	0	0	1
GRIA3	0	0.0141392	inf	1
LOC100129520	0	0	0	1
CXorf64	0	0	0	1
XPNPEP2	0	0	0	1
SASH3	0	0	0	1
ARHGAP36	0	0	0	1
OR13H1	0	0	0	1
HS6ST2-AS1	0	0	0	1
CCDC160	0	0	0	1

SMIM10	0	0	0	1
FAM127A	0	0	0	1
LINC00086	0	0	0	1
CT45A1	0	0	0	1
CT45A2,CT45A3,(0	0	0	1
SAGE1	0	0	0	1
GPR112	0	0	0	1
BRS3	0	0	0	1
VGLL1	0	0	0	1
MIR934	0	0	0	1
LOC100128420	0	0	0	1
ZIC3	0	0	0	1
FGF13-AS1	0	0	0	1
SRD5A1P1	0	0	0	1
F9	0	0	0	1
LOC389895	0	0	0	1
RP1-177G6.2	0	0	0	1
SPANXB2	0	0	0	1
SPANXB1	0	0	0	1
SPANXA2	0	0	0	1
MAGEC3	0	0	0	1
MAGEC1	0	0	0	1
SPANXN4	0	0	0	1
UBE2NL	0	0	0	1
SPANXN1	0	0	0	1
TMEM257	0	0	0	1
CXorf51B	0	0	0	1
FMR1NB	0	0	0	1
AFF2	0	0	0	1
MAGEA11	0	0	0	1
HSFX2	0	0	0	1
MAGEA9B	0	0	0	1
MIR2114	0	0	0	1
MAMLD1	0	0	0	1
MIR4330	0	0	0	1
GPR50	0	0	0	1
PASD1	0	0.00275379	inf	1
PRRG3	0	0	0	1
FATE1	0	0	0	1
CNGA2	0	0	0	1
GABRQ	0	0	0	1
MAGEA2,MAGEA	0	0	0	1
CSAG2,CSAG3	0	0	0	1
PNMA3	0	0	0	1
PNMA6C,PNMA6I	0	0	0	1
ZFP92	0	0	0	1
ATP2B3	0	0.00215211	inf	1
AVPR2	0	0	0	1
MIR3202-1	0	0	0	1

OPN1MW	0	0	0	1
OPN1MW	0	0	0	1
FAM223B	0	0	0	1
CTAG1B	0	0	0	1
SNORA56	0	1.96183 inf		1
H2AFB1	0	0	0	1
H2AFB3	0	0	0	1
F8A1	0	0	0	1
MIR1184-3	0	0	0	1
TMLHE-AS1	0	0	0	1
SPRY3	0	0	0	1
VAMP7	0	0	0	1
IL9R	0	0	0	1
GTPBP6	0	0	0	1
PPP2R3B	0	0	0	1
CRLF2	0	0	0	1
SLC25A6	0	0	0	1
ASMTL	0	0	0	1
P2RY8	0	0	0	1
DHRSX,ZBED1	0	0	0	1
ARSE	0	0	0	1
MXRA5	0	0	0	1
NLGN4X	0	0	0	1
MIR4770	0	0	0	1
VCX2	0	0	0	1
KAL1	0	0	0	1
FAM9A	0	0	0	1
FAM9B	0	0	0	1
ARHGAP6	0	0	0	1
TLR8-AS1	0	0	0	1
FAM9C	0	0	0	1
ATXN3L	0	0	0	1
ASB9	0	0	0	1
ASB11	0	0	0	1
RAI2	0	0	0	1
SCML2	0	0	0	1
RS1	0	0.0198127 inf		1
LOC729609	0	0	0	1
MIR23C	0	0	0	1
KLHL34	0	0	0	1
SMPX	0	0	0	1
PHEX-AS1	0	0	0	1
LOC100873065	0	0	0	1
ZFX-AS1	0	0	0	1
SUPT20HL2	0	0	0	1
PCYT1B	0	0.00195642 inf		1
ARX	0	0	0	1
SMEK3P	0	0	0	1
DCAF8L1	0	0	0	1

NR0B1	0	0	0	1
CXorf21	0	0.00537639	inf	1
FTHL17	0	0	0	1
DMD	0	0.00133299	inf	1
FAM47A	0	0	0	1
TMEM47	0	0.00241509	inf	1
LOC286442	0	0	0	1
LOC100132831	0	0	0	1
PPP1R2P9	0	0	0	1
MAOB	0	0	0	1
NDP	0	0	0	1
EFHC2	0	0	0	1
MIR222	0	0	0	1
SSX5	0	0	0	1
SSX9	0	0	0	1
SSX3	0	0	0	1
SSX4B	0	0	0	1
PCSK1N	0	0	0	1
CACNA1F	0	0	0	1
PAGE1	0	0	0	1
AKAP4	0	0	0	1
DGKK	0	0	0	1
NUDT11	0	0.00454612	inf	1
CENPVP2	0	0	0	1
MAGED4,MAGED	0	0	0	1
SNORA11D	0	0	0	1
SNORA11E	0	0	0	1
XAGE1B,XAGE1C	0	0	0	1
XAGE2,XAGE2B	0	0	0	1
XAGE1C	0	0	0	1
XAGE1A,XAGE1C	0	0	0	1
SSX7	0	0	0	1
SSX2	0	0	0	1
SPANXN5	0	0	0	1
XAGE3	0	0	0	1
MIR98	0	0	0	1
MIRLET7F2	0	0	0	1
ITIH6	0	0	0	1
ALAS2	0	0	0	1
PAGE3	0	0	0	1
USP51	0	0	0	1
SPIN2A	0	0.00934654	inf	1
ZXDA	0	0	0	1
MIR1468	0	0	0	1
ASB12	0	0	0	1
MTMR8	0	0	0	1
FRMD8P1	0	0	0	1
VSIG4	0	0	0	1
AWAT2	0	0	0	1

P2RY4	0	0	0	1
TEX11	0	0	0	1
SLC7A3	0	0	0	1
CXorf65	0	0	0	1
CXorf49B	0	0	0	1
LINC00684	0	0	0	1
DMRTC1B	0	0	0	1
PABPC1L2A	0	0	0	1
NAP1L2	0	0.00325871	inf	1
MIR421	0	0	0	1
MIR374B	0	0	0	1
MIR545	0	0	0	1
MIR374A	0	0	0	1
KIAA2022	0	0	0	1
MAGEE2	0	0	0	1
MIR384	0	0	0	1
CYSLTR1	0	0	0	1
ZCCHC5	0	0	0	1
MIR4328	0	0	0	1
ITM2A	0	0	0	1
HDX	0	0	0	1
POF1B	0	0	0	1
NAP1L3	0	0.00374402	inf	1
LOC643486	0	0	0	1
LOC442459	0	0	0	1
NXF5	0	0	0	1
NXF2	0	0	0	1
TMSB15A	0	0	0	1
BEX1	0	0	0	1
NXF3	0	0.00597599	inf	1
BEX2	0	0	0	1
GLRA4	0	0	0	1
H2BFWT	0	0	0	1
H2BFXP	0	0	0	1
ESX1	0	0	0	1
TEX13A	0	0	0	1
SERPINA7	0	0	0	1
NUP62CL	0	0	0	1
TEX13B	0	0	0	1
IRS4	0	0	0	1
GUCY2F	0	0	0	1
SNORD96B	0	0	0	1
CHRD1	0	0	0	1
CAPN6	0	0	0	1
DCX	0	0	0	1
RNU6-28	0	0	0	1
TRPC5	0	0	0	1
LHFPL1	0	0	0	1
MIR4329	0	0	0	1

LRCH2	0	0	0	1
CXorf61	0	0	0	1
KLHL13	0	0	0	1
MIR766	0	0	0	1
RHOXF2B	0	0	0	1
RHOXF1	0	0.0243832	inf	1
CT47B1	0	0	0	1
CT47A1,CT47A4	0	0	0	1
CT47A8	0	0	0	1
CT47A11	0	0	0	1
CT47A5	0	0	0	1
CT47A3	0	0	0	1
CT47A7	0	0	0	1
CT47A1,CT47A2,4	0	0	0	1
CT47A2	0	0	0	1
CT47A9	0	0	0	1
CT47A8	0	0	0	1
CT47A6	0	0	0	1
TENM1	0	0	0	1
DCAF12L2	0	0	0	1
DCAF12L1	0	0	0	1
GPR119	0	0	0	1
FRMD7	0	0	0	1
HS6ST2	0	0	0	1
USP26	0	0	0	1
TFDP3	0	0	0	1
GPC3	0	0	0	1
MIR363	0	0	0	1
MIR92A2	0	0	0	1
MIR19B2	0	0	0	1
MIR20B	0	0	0	1
MIR18B	0	0	0	1
MIR106A	0	0	0	1
MIR450B	0	0	0	1
MIR450A1	0	0	0	1
MIR450A2	0	0	0	1
MIR542	0	0	0	1
MGC16121,MIR42	0	0.0153434	inf	1
MIR503	0	0	0	1
FAM127C	0	0	0	1
FAM127B	0	0	0	1
LINC00087	0	0	0	1
LINC00633	0	0.0399698	inf	1
CT45A4	0	0	0	1
CT45A5	0	0	0	1
CT45A6	0	0	0	1
SNORD61	0	0	0	1
GPR101	0	0	0	1
LOC158696	0	0	0	1

MIR504	0	0	0	1
MIR505	0	0	0	1
CXorf66	0	0	0	1
SOX3	0	0	0	1
CDR1	0	0.0062682	inf	1
MIR320D2	0	0	0	1
LDOC1	0	0	0	1
SPANXA2	0	0	0	1
MAGEC2	0	0.0060792	inf	1
SPANXN3	0	0	0	1
SLITRK4	0	0.000974262	inf	1
SPANXN2	0	0	0	1
MIR890	0	0	0	1
MIR888	0	0	0	1
MIR892A	0	0	0	1
MIR892B	0	0	0	1
MIR891B	0	0	0	1
MIR891A	0	0	0	1
CXorf51A	0	0	0	1
MIR506	0	0	0	1
MIR507	0	0	0	1
MIR508	0	0	0	1
MIR514B	0	0	0	1
MIR509-1	0	0	0	1
MIR509-3	0	0	0	1
MIR509-1	0	0	0	1
MIR510	0	0	0	1
MIR514A1	0	0	0	1
MIR514A2	0	0	0	1
MIR514A3	0	0	0	1
MAGEA9B	0	0	0	1
HSFX2	0	0	0	1
GABRE	0	0	0	1
MIR452	0	0	0	1
GABRA3	0	0	0	1
MIR105-1	0	0	0	1
MIR767	0	0	0	1
MIR105-2	0	0	0	1
CSAG2,CSAG3	0	0	0	1
MAGEA12	0	0	0	1
MAGEA2,MAGEA	0	0	0	1
MAGEA3	0	0	0	1
PNMA6D	0	0	0	1
MAGEA1	0	0	0	1
PDZD4	0	0.0159303	inf	1
MIR3202-2	0	0	0	1
MIR718	0	0	0	1
TEX28	0	0	0	1
CTAG1A	0	0	0	1

CTAG2	0	0.0471549	inf	1
SMIM9	0	0	0	1
MIR1184-1	0	0	0	1
MIR1184-3	0	0	0	1
F8A1	0	0	0	1
H2AFB3	0	0	0	1
PLCXD1	0	0	0	1
LINC00685	0	0	0	1
SHOX	0	0	0	1
CSF2RA	0	0	0	1
MIR3690	0	0	0	1
IL3RA	0	0	0	1
ASMTL-AS1	0	0	0	1
AKAP17A,ASMT	0	0	0	1
CD99P1	0	0	0	1
CD99	0	0	0	1
XGPY2	0	0	0	1
RPS4Y1	0	0	0	1
ZFY	0	0	0	1
LINC00278	0	0	0	1
TGIF2LY	0	0	0	1
TSPY2	0	0	0	1
TTTY1B	0	0	0	1
TTTY21	0	0	0	1
TTTY7,TTTY7B	0	0	0	1
TBL1Y	0	0	0	1
PRKY	0	0	0	1
TTTY12	0	0	0	1
TTTY19	0	0	0	1
TSPY3,TSPY4,TS	0	0	0	1
TSPY1	0	0	0	1
TTTY8B	0	0	0	1
TTTY2	0	0	0	1
TTTY22	0	0	0	1
TTTY23B	0	0	0	1
TTTY15	0	0	0	1
USP9Y	0	0	0	1
DDX3Y	0	0	0	1
TMSB4Y	0	0	0	1
VCY	0	0	0	1
NLGN4Y	0	0	0	1
FAM41AY1	0	0	0	1
CDY2A,CDY2B	0	0	0	1
XKRY	0	0	0	1
FAM224A,FAM22-	0	0	0	1
HSFY1,HSFY2	0	0	0	1
TTTY9A	0	0	0	1
TXLNG2P	0	0	0	1
EIF1AY	0	0	0	1

RPS4Y2	0	0	0	1
RBM1B	0	0	0	1
RBM1B	0	0	0	1
TTY6,TTY6B	0	0	0	1
RBM1F,RBM1L	0	0	0	1
PR2	0	0	0	1
TTY17C	0	0	0	1
TTY4	0	0	0	1
BP2	0	0	0	1
DAZ2,DAZ3,DAZ4	0	0	0	1
TTY17C	0	0	0	1
TTY4	0	0	0	1
BP2	0	0	0	1
DAZ2,DAZ3,DAZ4	0	0	0	1
GOLGA2P2Y	0	0	0	1
CSPG4P1Y	0	0	0	1
CDY1	0	0	0	1
TTY3	0	0	0	1
SPRY3	0	0	0	1
VAMP7	0	0	0	1
IL9R	0	0	0	1
GTPBP6	0	0	0	1
PPP2R3B	0	0	0	1
CRLF2	0	0	0	1
SLC25A6	0	0	0	1
ASMTL	0	0	0	1
P2RY8	0	0	0	1
DHRX,ZBED1	0	0	0	1
SRY	0	0	0	1
TTY23B	0	0	0	1
TTY2	0	0	0	1
TTY8B	0	0	0	1
AMELY	0	0	0	1
TTY16	0	0	0	1
TTY18	0	0	0	1
TTY11	0	0	0	1
RBM1A3P	0	0	0	1
TTY20	0	0	0	1
FAM197Y5	0	0	0	1
FAM197Y5	0	0	0	1
FAM197Y2	0	0	0	1
FAM197Y2	0	0	0	1
FAM197Y2	0	0	0	1
RBM3AP	0	0	0	1
TTY7,TTY7B	0	0	0	1
TTY21	0	0	0	1
TTY1B	0	0	0	1
UTY	0	0.00232564	inf	1
VCY	0	0	0	1

NLGN4Y-AS1	0	0	0	1
FAM224A,FAM22	0	0	0	1
XKRY2	0	0	0	1
CDY2A,CDY2B	0	0	0	1
FAM41AY2	0	0	0	1
TTTY9B	0	0	0	1
HSFY1,HSFY2	0	0	0	1
NCRNA00185	0	0	0	1
TTTY14	0	0	0	1
BCORP1	0	0	0	1
KDM5D	0	0	0	1
TTTY10	0	0	0	1
RBMV2EP	0	0	0	1
TTTY13	0	0	0	1
RBMV1B	0	0	0	1
RBMV1B	0	0	0	1
PRY	0	0	0	1
RBMV1J	0	0	0	1
TTTY5	0	0	0	1
TTTY6,TTTY6B	0	0	0	1
DAZ1,DAZ4	0	0	0	1
TTTY3B	0	0	0	1
CDY1	0	0	0	1
CSPG4P1Y	0	0	0	1
GOLGA2P2Y	0	0	0	1
DAZ3,DAZ4	0	0	0	1
BPY2C	0	0	0	1
TTTY4B	0	0	0	1
TTTY17B	0	0	0	1
RAB1B	151.171	179.288	0.246095	0.563431
SMARCAL1	7.82449	5.60462	-0.48138	0.155896
BAHD1	10.0875	12.1056	0.263108	0.539647
NAT8L	0.0178183	0.0121312	-0.554632	1
KIF3C	2.47636	1.78112	-0.475433	0.248223
WDFY3	0.929329	0.725339	-0.357533	0.412911
TRNT1	8.06006	15.0704	0.902854	0.00153868
CCNDBP1	10.7418	7.229	-0.571363	0.0407657
DDX54	32.5829	41.5585	0.351027	0.311408
SOCS7	1.87491	2.12615	0.181423	0.783127
KIN	2.02651	2.42853	0.261086	0.62076
LOC100288846	0.527185	0.263928	-0.998165	0.901684
NDUFV2	166.881	174.071	0.0608566	0.945989
LOC730183	2.64249	3.63531	0.460177	0.715755
CCDC174	5.08906	2.95377	-0.784842	0.0117316
FAM195A	108.989	145.841	0.420216	0.176195
RTN4RL2	23.5034	16.2417	-0.533167	0.200193
RBM38	37.5958	51.1637	0.44455	0.392176
PARP4	14.0206	8.83269	-0.666621	0.0123712
CCDC24	8.1741	4.44993	-0.877277	0.375271

MNX1	17.8211	24.6381	0.467307	0.202575
CCDC43	7.50181	8.80754	0.2315	0.664979
NUP37	33.3738	25.8765	-0.367075	0.289507
TMEM145	27.2585	24.9253	-0.129096	0.853083
DAG1	10.7525	14.003	0.381071	0.245022
STK19	6.15182	4.92016	-0.322306	0.769079
ANKRD32	0.7594	1.24669	0.715172	0.0997561
GOLPH3	17.2566	17.1112	-0.0122118	0.992304
BRMS1L	2.18704	3.69219	0.755495	0.0290262
ARL4A	3.16103	3.3873	0.099739	0.914837
LMF2	51.7828	51.2687	-0.014395	0.989954
PTPRU	12.4039	8.99701	-0.46328	0.127913
TTC27	8.09811	9.15906	0.177615	0.765218
PSMD10	28.8972	29.8781	0.0481569	0.95781
ANKRD17	5.40933	5.9919	0.147564	0.802416
PCDH12	0.0194263	0.0306376	0.657296	1
DHRS4L1	0.0874831	0.0895571	0.0338037	1
KLHDC10	3.87127	2.71546	-0.51161	0.0997561
LINC00657	28.1827	27.1714	-0.0527182	0.953159
NUP188	31.7744	43.8425	0.464465	0.15618
INIP	5.56558	4.57794	-0.281833	0.626866
FAM102A	15.5801	14.8393	-0.0702774	0.935543
PINLYP	1.12601	1.48044	0.394802	0.801574
IBA57	1.72059	1.28953	-0.416059	0.326655
BCAN	3.1071	2.63346	-0.238609	0.739268
FKTN	3.37741	3.83473	0.183208	0.815252
BEND7	7.68609	5.61659	-0.452554	0.241813
LRRC3	1.35012	2.24322	0.732484	0.136653
ASH2L	8.66507	6.78529	-0.352802	0.369306
SGMS2	2.90281	3.79685	0.387351	0.30062
ZCCHC4	2.14662	1.95756	-0.133005	0.889046
KDM5A	2.22607	1.73357	-0.360749	0.418773
SETDB2	1.12448	0.587561	-0.93645	0.0130226
IP6K2	57.7768	38.4043	-0.589225	0.0351856
MRPL45	54.4073	40.4688	-0.42699	0.158977
HPSE	2.60431	2.06026	-0.338077	0.474059
FAM200B	3.50383	2.99188	-0.227883	0.66903
C10orf118	0.240229	0.234255	-0.0363316	1
FAM92A1	33.175	31.4169	-0.0785581	0.926868
SAC3D1	43.2485	62.558	0.532543	0.0647668
EHBP1L1	9.86275	10.6316	0.108302	0.877619
HTATIP2	36.466	32.0912	-0.184375	0.736361
PPP3CB	8.5029	6.54822	-0.376852	0.302537
ANKRD13D	17.3265	24.4225	0.495236	0.112663
CATSPER2P1	0.390462	0.157903	-1.30614	0.201515
MMADHC	74.7073	55.8076	-0.420788	0.169914
PRADC1	15.6322	24.8488	0.668654	0.0232503
SMARCE1	35.091	33.3626	-0.0728689	0.930962
MEMO1	28.8001	30.8403	0.0987433	0.895596

JMJD1C	5.13075	2.58211	-0.990621	0.00153868
ZNF37BP	1.81338	2.7294	0.5899	0.0471668
HAUS2	9.99224	11.2256	0.167907	0.765267
PNMA1	22.7865	26.3414	0.209154	0.664469
CYP2D7P1	0.781591	0.688028	-0.183946	0.931798
LARP4B	8.99031	11.9148	0.406311	0.188505
FAM109A	7.03216	11.181	0.669015	0.0243026
SLC30A6	3.71574	3.4946	-0.0885242	0.919777
ZDHC8	10.3977	16.3094	0.649434	0.0111246
SNRPD2	583.88	654.001	0.163621	0.766836
GNAS	454.712	419.747	-0.115432	0.870894
SSBP3	14.93	12.2487	-0.285589	0.523165
NOS3	7.79676	5.99809	-0.37837	0.368002
SCFD2	1.35049	2.78756	1.04552	0.00478151
TTC39A	4.87462	2.54151	-0.9396	0.00820276
ZNF473	3.0798	3.90857	0.343804	0.393462
JAK2	0.293661	0.307034	0.0642444	1
ERCC8	3.16993	2.61891	-0.275484	0.647731
NSL1	0.854618	1.03975	0.282879	0.548616
PLP2	437.219	398.259	-0.134652	0.827846
MTERFD2	7.88621	9.49736	0.268194	0.664444
MAFA	5.17728	5.15569	-0.00603016	0.997314
SERINC5	1.67619	1.93679	0.208479	0.745874
PRR5L	1.22073	1.78123	0.545125	0.234947
FTSJD2	9.82574	9.31663	-0.076758	0.929057
EP400	2.74208	2.54103	-0.109853	0.883954
NEDD1	3.72786	3.60152	-0.0497451	0.963608
THAP7	28.1413	35.2852	0.326376	0.474408
HHAT	0.496137	0.324234	-0.613702	0.393124
LOC100506746	0.533535	0.176121	-1.59901	0.0388971
RPS9	4671.4	4571.64	-0.0311449	0.97664
ZBTB9	6.59182	9.39931	0.511877	0.115387
PTPN18	14.0814	11.3823	-0.306994	0.427302
PSKH1	6.69432	7.17726	0.100494	0.912357
XPO6	31.8956	42.5695	0.416462	0.167611
KCNIP3	2.9126	2.34669	-0.311684	0.630091
PDS5A	7.33135	7.23937	-0.0182155	0.987078
SCARB1	55.7982	91.2393	0.709436	0.00380811
FAHD2CP	5.30171	2.30725	-1.20028	0.0176564
LOC254100	0.695279	0.789257	0.182903	0.934875
LOC729444	0.0112641	0.0124391	0.143139	1
LDB1	17.6861	18.2584	0.0459378	0.964843
MICALL2	2.71811	2.47696	-0.13403	0.900447
PSMA1	135.513	153.892	0.183487	0.724344
BTN2A1	5.16409	5.48313	0.0864857	0.926868
UBA1	101.778	113.447	0.156583	0.78593
CYBASC3	9.30655	12.5707	0.433745	0.906254
PSMA6	147.832	156.671	0.083773	0.915223
TUBB	445.012	574.339	0.368061	0.307402

CLASP2	2.2938	2.33904	0.0281805	0.97957
DSP	2.37715	2.0911	-0.184973	0.76146
MECOM	1.95092	1.33578	-0.546467	0.156345
MED24	22.4633	28.3663	0.33661	0.334299
NOP14	24.5246	29.5261	0.267763	0.547145
TRMT12	5.2335	7.62429	0.542829	0.111557
NSDHL	23.7957	35.9635	0.595835	0.0324264
ACACA	4.2209	5.20075	0.301171	0.439733
LOC100131089	5.17494	2.03026	-1.34988	0.0347593
HSPE1,HSPE1-M	355.837	919.934	1.37031	0.0614148
MIS18BP1	2.80495	2.91697	0.0564942	0.956177
IQCJ,IQCJ-SCHIP	6.22587	6.03979	-0.0437787	0.970043
RCN2	25.6785	25.1552	-0.0297038	0.976381
RYR2	0.125752	0.0767102	-0.713093	1
LEF1-AS1	0.382803	0.289751	-0.401785	0.972717
LZTFL1	3.07767	2.26106	-0.444842	0.249574
CNOT4	4.00527	3.86534	-0.0513043	0.964843
FBXO4	7.51134	4.08875	-0.877411	0.00739414
DDX23	20.6723	39.5076	0.934429	0.00153868
NOD1	1.62224	1.27909	-0.342866	0.562208
STRIP2	3.56543	4.6332	0.377934	0.32114
PAOX	6.10382	3.87959	-0.653808	0.137552
PHAX	6.06068	8.13596	0.424832	0.190837
ZFAND1	45.4083	27.8007	-0.707831	0.00659556
PRPF38A	13.4306	15.6838	0.223759	0.629217
SPSB3	40.3623	25.1414	-0.682943	0.0156935
KIAA0141	12.135	9.00698	-0.430057	0.180595
SNTB2	1.45245	1.56408	0.106831	0.89785
INTS5	12.6111	16.0512	0.347988	0.344831
CNPY3	47.095	49.1646	0.0620461	0.944779
ZSWIM3	1.30057	1.00065	-0.378208	0.597564
TMCO3	9.03351	6.13348	-0.558582	0.0738934
RIPPLY1	0.065771	0.0727295	0.145089	1
ARSD	4.91656	2.22885	-1.14135	0.00153868
RSBN1L	2.71351	2.92424	0.107897	0.930021
TCF7L2	4.16013	3.53207	-0.236114	0.677271
MRPL24	105.587	111.405	0.0773734	0.92475
SAP130	6.20776	6.35002	0.0326867	0.975492
RANBP9	9.8767	7.76504	-0.347035	0.336218
FAM53A	3.94945	2.33742	-0.756733	0.0741309
CEP120	2.99595	2.24059	-0.419131	0.275381
TMEM126B	35.756	45.5336	0.348747	0.353957
SEMA4F	4.08327	3.14254	-0.377795	0.319187
OSBPL3	1.70088	2.82206	0.730471	0.0150346
TMX1	18.3536	24.1239	0.394401	0.210545
ZNF846	0.350832	0.198226	-0.823638	1
C16orf13	172.638	175.485	0.0236025	0.981441
SMN2	4.76641	5.51926	0.211572	0.749905
DYNLT3	5.68124	5.14496	-0.143044	0.847872

NCBP2	32.516	40.0689	0.301333	0.417367
LOC100289361	7.22982	5.00362	-0.530989	0.412216
HGSNAT	6.33836	5.35889	-0.242174	0.605515
VPS13B	1.58139	1.18019	-0.422167	0.295637
OSBPL5	4.5019	2.44035	-0.883443	0.00970147
RPL6	2840.34	2911.41	0.0356557	0.975454
DEF6	20.1991	15.1549	-0.4145	0.21507
ZC3HC1	19.7655	19.5645	-0.0147451	0.990042
CCDC13	0.0217432	0.0345293	0.667254	1
LOC100507501	2.97424	0.748158	-1.99111	0.00153868
IFITM3	327.662	401.353	0.292664	0.437985
UBR2	2.59396	2.67844	0.0462381	0.965263
FBXO46	13.8223	12.3602	-0.1613	0.805551
GALNT2	9.24726	12.0011	0.376072	0.281986
ZSCAN26	5.45146	3.40397	-0.679422	0.0338188
HAUS6	4.74597	5.21871	0.13699	0.832068
UBE4B	5.20842	4.48842	-0.214637	0.679794
MYH11	0.0748967	0.0685544	-0.127652	1
FAS	4.26181	4.33393	0.0242076	0.984602
GTPBP10	3.75812	3.39767	-0.145467	0.817355
GBF1	5.71872	5.43283	-0.0739886	0.933845
CTDSP1	36.6412	33.8158	-0.115772	0.866022
EPB41L2	13.7776	12.1001	-0.187304	0.720235
MOAP1	18.6412	16.8364	-0.146912	0.813283
EIF4E2	41.3555	45.9478	0.151916	0.798793
ZBTB21	2.75769	2.67264	-0.0451927	0.96623
RNFT1	7.55163	6.35251	-0.249462	0.637483
RGL3	11.3462	6.16413	-0.880235	0.00153868
CNTROB	13.2834	12.1285	-0.131228	0.84109
LOC100294145	2.21649	2.24275	0.0169934	0.990711
SURF6	59.8512	110.183	0.880453	0.00153868
AFG3L1P	4.10206	9.1508	1.15755	0.00153868
NR2F2	3.18328	4.48112	0.493348	0.177166
RNF152	0.940175	1.82956	0.960496	0.0723025
MAP7D3	5.5857	3.72541	-0.584339	0.0355697
FAM53B	6.39886	8.76197	0.45344	0.160804
ARFGEF1	4.14541	3.68263	-0.17078	0.762618
NUDT6	5.11717	3.32401	-0.622422	0.179759
NAPG	5.40984	6.35736	0.232844	0.643053
NDFIP2	6.30704	7.23545	0.198121	0.702464
C15orf56	1.93786	1.04034	-0.8974	0.800869
SMEK2	6.72428	6.0971	-0.141256	0.822628
ITGA2	1.11037	0.608789	-0.86703	0.00897284
ARID3A	5.60974	3.19323	-0.812919	0.0181648
C16orf70	5.35284	7.39128	0.465519	0.354349
EYA3	4.19765	6.78329	0.692402	0.00659556
CKAP4	21.9346	21.2134	-0.0482346	0.960529
C6orf226	11.9084	8.50476	-0.485643	0.495918
UBTD1	32.0783	40.4353	0.33402	0.379543

DYNC1L1	19.2188	19.383	0.0122739	0.991515
GFER	29.7791	25.0771	-0.247927	0.574478
ZDHC20	3.94216	5.01581	0.347495	0.361239
SLC25A11	69.6246	70.5147	0.0183278	0.985246
IFNGR2	42.4086	48.0313	0.179618	0.785865
EIF4E	17.6378	25.5707	0.535824	0.0407657
MRPL23	110.566	118.402	0.0987821	0.895596
C18orf21	20.2621	15.6678	-0.370983	0.343481
ZC3H3	18.8995	21.5795	0.191315	0.716797
ZNF551	0.89867	0.728397	-0.303066	0.711466
FAM73A	1.06749	0.78678	-0.44019	0.335246
TNPO1	9.44738	10.3964	0.138102	0.818547
MRPL10	88.0857	53.9645	-0.706897	0.00659556
SGOL1	2.79494	2.71829	-0.0401184	0.976285
FAM200A	3.37576	3.94098	0.22334	0.720174
LOC399744	2.11974	0.892079	-1.24864	0.00153868
MAP4	22.2201	20.9282	-0.0864194	0.908707
FAM21C	5.65029	4.43522	-0.349319	0.358517
OVOL2	3.45234	4.22601	0.291723	0.703707
KIAA1429	6.01295	5.32032	-0.17656	0.754724
HLA-E	153.172	116.902	-0.389858	0.232203
DFNB59	1.15189	0.492279	-1.22645	0.856904
CRCP	11.3831	10.3609	-0.135745	0.843686
CACYBP	45.8889	95.5034	1.05741	0.00153868
ATL3	9.52116	9.76037	0.0357987	0.974108
DLC1	22.6846	30.2423	0.414858	0.180595
SHISA5	97.6628	86.2329	-0.179571	0.730925
LRRC61	42.1511	62.7747	0.574615	0.157802
JMJD8	55.0889	74.2665	0.430948	0.361239
KIAA1614	0.032506	0.0310645	-0.0654415	1
MICAL1	17.6994	12.7913	-0.468535	0.125565
ALKBH2	32.7769	42.7399	0.382905	0.286194
UQCRC1	224.809	211.216	-0.0899807	0.906423
TTC8	5.51867	5.13798	-0.103118	0.907121
DKFZP586i1420	1.00459	1.04566	0.0578159	0.968712
ACOX3	5.96633	6.2177	0.0595368	0.955832
FBXO33	2.64291	2.52388	-0.066483	0.946416
LOC375295	20.267	19.3372	-0.0677544	0.945689
OSBP	14.5543	10.7098	-0.442523	0.138646
EED	12.297	16.6173	0.434376	0.171199
ACE	4.06672	2.87135	-0.502135	0.222632
DPH5	19.7085	16.5775	-0.249598	0.579643
NDUFB7	249.961	339.145	0.440195	0.148853
GTF2F1	57.2168	57.2146	-5.69E-05	0.999942
KIAA1161	1.21824	1.66242	0.448492	0.444145
FGD1	10.3364	9.17038	-0.17268	0.770808
BET1	9.85813	7.43902	-0.406201	0.217777
VRK3	11.737	9.22833	-0.346923	0.401662
LIMD1-AS1	5.56483	6.85737	0.301319	0.79145

MPHOSPH8	9.50239	9.19928	-0.0467699	0.960529
BBC3	47.1074	16.3768	-1.5243	0.00153868
C7orf55,C7orf55-L	43.9786	42.2034	-0.0594448	0.955641
CDK2AP1	64.5254	107.839	0.740942	0.00153868
MIA3	4.02823	2.86315	-0.492545	0.100178
LAMC3	0.0882889	0.0326974	-1.43306	1
CSTF2T	4.92305	5.7863	0.233089	0.635944
ALDH18A1	42.4185	45.6302	0.105296	0.880357
RTF1	13.2852	17.8642	0.42725	0.151333
DPF1	2.56037	2.19729	-0.220626	0.817355
MATR3	41.6612	39.3186	-0.0834941	0.91609
CMPK1	27.2353	33.2925	0.28972	0.449418
LOC257396	1.58863	1.03538	-0.617627	0.249717
SP1	7.58621	5.30198	-0.51685	0.0568637
CDC20	129.982	169.506	0.383025	0.247701
PAQR4	26.0329	26.0261	-0.000375787	0.99971
C9orf89	66.3904	49.4954	-0.423679	0.219177
GTF2IRD1P1	9.77107	9.73861	-0.00480028	0.997552
CCDC87	0.107827	0.09466	-0.187895	1
KHDRBS1	87.9212	78.7497	-0.158937	0.784528
STXBP2	59.2159	41.2025	-0.523254	0.0600393
RALGAPB	3.24328	3.39589	0.0663382	0.943284
PARL	47.2647	50.2771	0.0891376	0.906254
GPX1	714.924	864.798	0.274574	0.49037
DDX42	17.4282	20.277	0.218418	0.629512
ALG11,UTP14C	1.92699	1.97947	0.0387588	0.974348
SPPL2B	6.70231	5.00905	-0.420122	0.318076
THAP6	1.83134	1.28762	-0.508191	0.236814
CLDN22	1.32596	1.80319	0.443509	0.639694
SEN2	6.81304	6.30427	-0.111971	0.884031
SNX2	25.7583	16.952	-0.603581	0.0253664
TNNI3	9.31689	6.70868	-0.47382	0.416685
SEH1L	23.8132	38.1827	0.681156	0.0181648
CKAP5	14.2836	12.7641	-0.162268	0.774294
LOC100507217	35.7657	29.6825	-0.268963	0.506475
ZCCHC9	21.245	17.2014	-0.304603	0.547145
ARHGEF10L	5.0124	4.44247	-0.174139	0.795819
KPNA3	7.02219	10.9871	0.64582	0.0103919
DUSP7	28.7874	53.4127	0.891744	0.00153868
C12orf75	23.6164	32.8371	0.475537	0.116272
NAPEPLD	2.15857	2.83317	0.392339	0.809839
GEMIN5	5.62986	10.8121	0.941479	0.00153868
PAX9	1.61624	2.21099	0.452045	0.398652
LEAP2	0.510431	0.969674	0.925785	0.347688
ERCC3	22.1753	32.1295	0.534942	0.055778
PMAIP1	10.7051	7.18049	-0.57614	0.0630011
EXOSC5	139.694	120.611	-0.211906	0.647903
SMG7	8.25754	10.6508	0.367178	0.274988
GLTP	39.3185	40.6165	0.0468577	0.959846

PRKAG2	20.0237	17.0888	-0.22866	0.659662
TOMM22	90.191	125.02	0.4711	0.110718
UCKL1	30.911	31.9618	0.0482286	0.961132
TMEM102	26.5976	29.1641	0.132896	0.848267
MSANTD1	0.144515	0.0123548	-3.54808	1
RNF31	10.6079	12.4537	0.23143	0.62969
CHCHD1	70.908	83.0843	0.228626	0.612746
RRP7B	4.52687	8.50844	0.910381	0.00478151
VGLL4	9.10771	10.2416	0.169275	0.867449
ZNF215	1.73198	2.17928	0.331427	0.519864
ASB13	17.9806	9.8453	-0.868932	0.00153868
ATP6AP2	34.7998	27.8424	-0.321795	0.360865
SH2B2	15.8629	16.6445	0.0693875	0.947974
DES12	14.9294	14.9045	-0.00240751	0.998382
DLX2	1.77717	2.66178	0.582813	0.325655
ZBTB2	4.86105	7.50769	0.627103	0.0338188
MCM4	35.7266	51.6292	0.531188	0.0605998
RMND5A	4.77199	4.59807	-0.053565	0.97718
PLS1	2.98382	3.33044	0.158555	0.820368
APBB1	16.0182	11.8871	-0.430313	0.208514
HAUS1	37.4388	31.3231	-0.257311	0.554334
CELSR2	2.24674	2.30216	0.0351519	0.974777
SLAIN2	3.25807	3.50953	0.107261	0.887883
CDCA2	1.95567	1.36241	-0.521506	0.239715
ZNF227	3.69538	3.2248	-0.196514	0.757708
EXOSC7	71.4149	86.3507	0.273984	0.502162
LINC00152	499.487	380.058	-0.394228	0.21791
FAM183B	0.448475	0.153138	-1.5502	0.162703
PPP2R4	165.688	178.193	0.104973	0.881102
ZNF668	9.05039	15.9516	0.817647	0.00739414
LOC100506314	0.532363	0.616074	0.210693	0.856602
YIPF6	4.94689	4.29008	-0.205517	0.697059
FRS2	1.95385	1.86258	-0.0690155	0.944779
SPON2	0.432875	0.425729	-0.0240135	0.994204
UQCC	20.3813	22.0001	0.110265	0.879055
PIGX	4.52741	3.95188	-0.196149	0.756518
UQCR10	83.3276	110.132	0.402371	0.200193
MRPS7	38.5304	54.4051	0.497745	0.308846
ULK4	0.326349	0.252163	-0.372059	1
SKIV2L2	12.4734	10.8404	-0.202443	0.722089
STEAP3	15.0052	19.6228	0.387066	0.239276
GPRIN1	5.29177	8.26812	0.643809	0.0308509
KIF18A	1.42801	1.24029	-0.203328	0.802771
INO80E	60.3425	75.1968	0.317496	0.513296
ZNF7	18.2802	13.367	-0.451614	0.155609
CDK5RAP3	31.3179	25.1092	-0.318771	0.388367
COL27A1	4.44872	4.74896	0.0942207	0.913239
SH3BP4	3.64365	3.36886	-0.113124	0.890564
C11orf58	26.1592	27.7517	0.0852561	0.911227

IMPA2	27.3695	18.0838	-0.597875	0.0523053
PAICS	98.2659	96.4863	-0.0263668	0.978818
NEK4	3.17419	3.33126	0.0696799	0.945688
CCDC30	0.046126	0.0387339	-0.251982	1
MROH7,TTC4	14.8315	18.4387	0.314068	0.397595
SMAD6	0.813642	0.206751	-1.9765	0.0650492
KIAA0196	11.5169	9.10324	-0.339298	0.337387
DNMBP	1.91347	1.45904	-0.391171	0.367386
USP39	29.8384	34.8239	0.222905	0.691588
ZNF408	10.4125	10.5376	0.0172247	0.988974
POLE4	84.1134	123.775	0.557316	0.0467998
PMPCB	27.5011	20.1078	-0.45173	0.384554
C9orf156	5.84489	5.60255	-0.0610926	0.958143
NSMF	102.248	122.774	0.263935	0.514213
TMEM52	40.3814	50.059	0.309939	0.458976
LOC283922	0.443571	0.585103	0.399524	0.714822
RAI1	4.02559	4.78399	0.249015	0.87189
TOP1P1	0.0943817	0.0649483	-0.539215	1
CCDC90B	22.3606	14.3061	-0.644325	0.020985
DBI	169.074	271.91	0.685474	0.00274688
CAPN7	3.00283	2.74023	-0.132028	0.863109
PEX10	20.4344	25.2693	0.306386	0.845981
AHSA1	152.829	308.644	1.01403	0.00153868
UBE2C	279.348	287.745	0.042729	0.965765
RNFT2	1.87676	1.35272	-0.472374	0.399378
KRR1	16.8954	25.4879	0.593183	0.175512
CDK6	2.25909	2.20719	-0.0335288	0.975252
TSR3	105.551	170.634	0.692966	0.00659556
IMP4	129.02	168.908	0.388637	0.230877
TMEM242	3.60868	3.63753	0.0114884	0.993157
GDI2	172.155	144.26	-0.255039	0.551704
FANCB	0.375613	0.596571	0.667447	0.287405
FAM120B	3.37738	2.73188	-0.30601	0.55593
C1orf174	15.0535	20.7876	0.465628	0.147009
TDRD3	4.64355	2.82415	-0.71741	0.0294837
LYPLA1	39.0224	39.0672	0.00165277	0.998867
CAMSAP2	2.24398	2.23702	-0.00448007	0.997191
KCNK6	11.6642	15.8018	0.437998	0.18775
SPRTN	1.69188	3.03611	0.843598	0.0137404
SLC35F5	4.57434	3.43479	-0.413342	0.321291
MAP2K2	168.816	159.897	-0.0783048	0.922753
MFHAS1	1.80305	1.63409	-0.141947	0.881554
KCTD20	5.73407	5.39354	-0.0883273	0.913875
ZNF670,ZNF695	4.76028	4.12043	-0.208253	0.854706
C10orf25	0.480303	0.511413	0.0905447	0.981543
EEF2K	5.06934	5.71419	0.17275	0.764456
ALPK1	1.52263	0.44094	-1.78791	0.00153868
GCLC	6.18859	6.84441	0.145316	0.824372
STX4	49.5543	70.6729	0.512147	0.0634008

MFI2	33.9965	32.7863	-0.0522938	0.955124
FAM221A	5.44732	3.99965	-0.445673	0.344831
MYBBP1A	27.7749	52.636	0.92227	0.00153868
FYCO1	2.77147	2.9443	0.0872736	0.919777
DCAF6	5.2377	3.85868	-0.440827	0.5622
KIF2A	5.06298	5.43913	0.103389	0.893674
GPR158	0.168136	0.16188	-0.0546983	1
FBXO22	7.60185	8.84892	0.219151	0.77663
RABGGTA	15.1805	13.2064	-0.200978	0.72856
EFNA2	4.83806	4.87222	0.0101522	0.994582
PPM1K	2.4757	2.44053	-0.0206373	0.985175
ISOC1	7.7804	12.8963	0.729037	0.0103919
NOP14-AS1	3.21837	2.02394	-0.669163	0.655692
MZT2A	369.949	391.134	0.0803356	0.935829
MMAA	0.401568	0.43203	0.105488	0.940418
ATP6V1B2	32.9464	24.2001	-0.445106	0.131988
STX3	13.4674	9.51953	-0.500512	0.0907094
MFN1	5.75861	6.46662	0.167291	0.781269
CDK2	30.068	33.9731	0.176162	0.733012
USP22	37.6671	38.5789	0.0345079	0.971173
TTC12	7.5516	4.6978	-0.684796	0.0304296
SPECC1	7.14577	4.17457	-0.77546	0.00274688
NCKAP1	26.2381	20.5138	-0.355064	0.292125
C17orf53	4.57571	3.81611	-0.261892	0.65944
ZNF738	0.784212	0.909487	0.21381	0.733653
C19orf53	140.388	180.292	0.360914	0.284835
TRAP1	185.612	148.046	-0.326246	0.373268
PHF6	3.87295	3.81263	-0.0226469	0.982815
COX7A2L	117.873	85.6917	-0.460006	0.116272
COPG1	37.2505	34.6568	-0.104119	0.879418
PCBP2	201.537	148.7	-0.438638	0.176195
SNORA53	2.53606	1.56236	-0.698858	0.925922
MBP	3.29533	3.36539	0.0303501	0.979267
PPP2R5A	10.784	9.23223	-0.224147	0.630584
ARMCX4	0.35355	0.343886	-0.0399869	1
ABCC6	1.29486	0.698005	-0.891492	0.430428
ASL	41.8053	37.2506	-0.166423	0.772194
GTF2H2B	2.00034	3.39337	0.762475	0.00739414
SNW1	32.6137	28.7501	-0.181909	0.715089
GJC1	6.88997	4.57352	-0.591193	0.030086
INF2	37.0778	40.4719	0.126365	0.884758
TRIP6	295.39	246.091	-0.263426	0.525673
ANAPC5	48.2282	46.1553	-0.0633794	0.9444
IGHMBP2	6.2504	7.825	0.324143	0.438337
RIPK2	41.4245	27.6575	-0.582814	0.0334318
STK35	6.81558	8.5102	0.320358	0.395467
ZKSCAN5	4.59779	5.34146	0.216294	0.680015
TTC7A	3.11671	2.83406	-0.137153	0.96875
STAG1	3.14783	3.7781	0.263303	0.571471

UBE2G1	11.0779	15.562	0.490345	0.0881203
EPC2	2.69628	2.00176	-0.429697	0.303067
ATRIP,TREX1	5.60889	6.75834	0.268952	0.613714
WWP1	6.83734	7.99913	0.226409	0.629991
TEAD4	43.9812	43.4304	-0.0181801	0.985692
OCIAD2	262.97	200.904	-0.388396	0.225333
ALDH3B1	0.0916841	0.0488512	-0.908278	1
SNAI1	10.3704	11.087	0.0963952	0.917149
PGRMC2	16.5226	18.4454	0.158817	0.778621
VAC14	30.2662	25.8519	-0.227438	0.607406
EI24	47.8611	69.5674	0.539556	0.0347593
SLC25A32	16.7391	27.8376	0.733812	0.265881
LSM2	111.248	128.032	0.202725	0.679452
SUCLG1	46.7096	44.5404	-0.0686051	0.935543
CAMK2N2	56.5599	48.5669	-0.219807	0.804694
SESTD1	0.394312	0.416108	0.0776184	0.951854
GOLGA2	22.7521	15.9433	-0.513051	0.0685533
LOC100268168	3.90262	1.13567	-1.7809	0.00153868
USP27X	1.06782	1.19281	0.159702	0.889253
WTAP	35.6211	44.0397	0.306073	0.427664
WBP4	4.1303	3.59254	-0.201243	0.756508
MAP3K12	7.44649	5.873	-0.342464	0.924456
EPHB4	33.4028	42.7733	0.356741	0.287405
KLHL36	11.0139	5.86449	-0.909251	0.00478151
C14orf1	30.5667	29.4286	-0.0547425	0.952294
CCDC86	45.3741	126.708	1.48156	0.00153868
SH3BGRL3	287.671	352.938	0.294993	0.439637
ECHS1	150.406	174.389	0.213447	0.647696
ATP6V1C1	15.0478	17.4916	0.217113	0.63458
CTNNA1	56.5549	50.104	-0.174728	0.732286
SERBP1	41.1821	62.0497	0.591408	0.0280907
IZUMO4	0.308407	0.359581	0.221482	1
SNX8	16.4985	13.5673	-0.282199	0.478314
PALD1	10.2152	11.218	0.135102	0.833117
ZCCHC2	1.30514	1.83222	0.489385	0.234378
DGKD	4.30854	4.0843	-0.0771112	0.933651
MRPL9	71.5391	65.8099	-0.120426	0.859937
SRRD	16.1903	19.7739	0.288467	0.73942
PMP22	33.3008	46.2948	0.475294	0.101539
TTI2	5.87684	7.70886	0.391476	0.69402
C1orf43	155.144	110.453	-0.490172	0.241102
KANK1	2.33913	3.1636	0.435595	0.238328
TMED2	94.5287	104.715	0.147638	0.802089
MRPS5	37.4437	45.0417	0.266538	0.50443
CARD6	1.17668	0.930028	-0.339381	0.574093
SMG6	11.34	11.9367	0.0739811	0.933717
C14orf93	6.29085	3.545	-0.827469	0.0169799
RAMP1	45.6845	47.1274	0.0448631	0.964843
INTS12	13.0489	11.8358	-0.14077	0.838891

DOCK4	0.415511	0.571408	0.459634	0.387751
ARL3	5.82798	6.2546	0.101921	0.896977
C17orf75	2.31366	1.24079	-0.898913	0.00659556
PPARD	12.3471	14.0713	0.188589	0.731905
PAFAH1B3	103.959	114.28	0.136563	0.844633
FECH	1.89584	2.45697	0.374046	0.342599
DBR1	4.99477	6.31142	0.337547	0.425447
MTFR1	13.9544	15.851	0.183847	0.731905
CNOT1	15.934	14.3433	-0.15173	0.811259
ZFAND2A	17.5451	22.9061	0.38467	0.342569
MECR	16.4681	15.5483	-0.0829174	0.9183
MVP,PAGR1	28.1741	33.8493	0.264755	0.532321
PPP1R7	57.793	54.2126	-0.0922673	0.901684
FAM72A	1.0502	0.64084	-0.712632	0.256548
KCTD3	4.68562	6.35484	0.439615	0.196403
DAAM1	0.516421	0.61267	0.246563	0.773721
SH3PXD2A	1.23087	1.58354	0.363483	0.377805
ATPAF1	25.4933	18.8059	-0.438934	0.185361
TMEM54	145.181	123.623	-0.2319	0.606201
IGF2BP3	6.28878	4.54766	-0.467654	0.147598
CNTF,ZFP91	6.58764	7.91589	0.264989	0.533281
ARMC10	37.6037	37.4141	-0.00729518	0.994734
GANAB	89.4476	77.7261	-0.202643	0.676543
ATRN	3.6207	3.13084	-0.20972	0.721837
YME1L1	25.4218	23.1746	-0.133522	0.832181
SESN3	0.118229	0.0302605	-1.96608	1
ARHGAP35	4.10073	4.37344	0.0928849	0.902527
UXT	128.608	125.429	-0.036107	0.971173
SLC35D1	1.15884	1.66805	0.525487	0.172853
TRMT112	430.289	561.833	0.384835	0.387199
ITSN1	1.6454	1.65489	0.00830042	0.994734
NDUFA6	61.2429	62.5712	0.0309561	0.975492
VPS33B	7.60227	5.52771	-0.459748	0.203128
CDKL3	0.853658	0.607288	-0.491279	0.553984
MBOAT7	98.1571	101.5	0.0483107	0.958829
RETSAT	17.5484	12.9865	-0.434322	0.159847
CCDC11	1.33711	0.965644	-0.469556	0.499226
BTBD7	2.67066	3.2032	0.262319	0.684169
IDE	3.55247	3.46891	-0.0343414	0.975492
KAZALD1	3.17819	2.67875	-0.246647	0.762574
CLASP1	3.0658	2.80955	-0.125922	0.86364
C6orf62	33.1607	28.1431	-0.236694	0.680049
SIKE1	4.45311	4.12294	-0.111139	0.880513
MANBAL	55.5712	72.4703	0.383051	0.222759
SLC25A12	4.11795	4.85922	0.238797	0.648844
MTCH2	43.3162	45.2682	0.0635915	0.94048
NOL11	17.271	27.6192	0.677324	0.00478151
STK36	3.32057	2.90357	-0.193601	0.908026
C15orf37	2.21418	2.4198	0.128118	0.977982

HDC2	42.6003	42.1234	-0.0162404	0.987159
DNM2	40.1651	40.9293	0.0271919	0.978818
COPE	260.111	260.318	0.00114792	0.999234
FDFT1	58.0793	72.5885	0.321717	0.37853
CDC40	4.36637	3.79316	-0.203034	0.720279
DDX47	33.4866	40.3049	0.267374	0.503126
FAM91A1	10.3478	12.929	0.321288	0.358411
NELFB	98.3371	119.261	0.278313	0.483022
CERS6	3.10086	3.16201	0.0281746	0.983738
YWHAG	40.1721	59.2819	0.561397	0.0403493
MRPS2	290.083	339.382	0.226444	0.629512
MTRNR2L10	1.30789	0.748338	-0.805484	0.247212
CEMP1	9.29995	12.4955	0.426108	0.657199
RNF144B	0.17567	0.0872631	-1.00943	1
BOLA3	82.4959	95.7491	0.214937	0.684216
ZNF629	6.5358	7.90963	0.275246	0.50844
TGFBR3L	0.622964	0.182985	-1.76743	0.41602
KSR1	0.193658	0.133517	-0.536487	1
CDC7	2.27696	3.21225	0.496476	0.191267
AIM1	0.0075342	0.00133125	-2.50067	1
ABCD3	9.35812	16.4065	0.809978	0.0137404
EFCAB4B	1.49468	2.30402	0.624311	0.180946
SHOC2	5.02766	4.17638	-0.267631	0.560206
ZFP30	1.02913	1.047	0.0248341	0.985436
FAM132A	1.09942	1.40374	0.352523	0.828523
FMR1	4.73417	4.84745	0.0341165	0.975484
PDLIM7	87.3017	83.2262	-0.068972	0.938622
ATP5H	283.752	282.023	-0.00881779	0.994159
SMNDC1	45.5098	55.6528	0.290277	0.445156
LOC284889	1.89274	3.1634	0.740998	0.926279
PRKCD	14.2659	16.871	0.241973	0.591159
POLR2C	49.8062	66.5078	0.417199	0.257002
RBM6	12.973	18.0147	0.473661	0.114041
CUL2	8.5548	8.69027	0.0226678	0.981441
RGL4	0.664768	0.593318	-0.164046	0.962865
EIF4ENIF1	4.18651	5.13511	0.294646	0.518305
PDPK1	2.66475	2.66602	0.000686015	0.999234
PPRC1	11.4389	16.6109	0.538184	0.0561838
PPP1CC	95.1764	96.2981	0.016904	0.987173
PCGF2	42.8077	39.3864	-0.120173	0.89301
ANKRD27	7.02053	9.86767	0.491129	0.108015
HECTD1	3.68416	4.76074	0.369851	0.276711
PARD3	18.091	11.7291	-0.625182	0.0226901
ELMO2	4.58156	5.17648	0.176133	0.77593
ZAK	5.43224	4.97858	-0.125813	0.868343
IFNAR2	8.75248	7.34937	-0.252073	0.667772
MKNK1	8.56935	6.81339	-0.330813	0.433985
USP46	1.15076	1.43611	0.319581	0.496696
RBM39	44.3803	50.8415	0.196089	0.708212

MALAT1	62.0471	55.2931	-0.166264	0.773721
DUS3L	41.306	53.3677	0.369614	0.284182
CACUL1	7.56779	8.08117	0.0946931	0.899235
LOC282997	2.19168	1.22965	-0.833781	0.0981523
INTS4	7.30466	6.69753	-0.125187	0.863898
UGT8	3.23384	2.63971	-0.292868	0.600393
EIF3D	223.624	136.493	-0.712246	0.00572929
WBP1L	5.56143	5.19166	-0.0992596	0.902497
CHST14	21.6921	21.5505	-0.00944457	0.994116
MKI67IP	50.8272	66.6584	0.391187	0.223482
RNF25	27.0544	41.8227	0.628426	0.0533774
NIPSNAP3B	0.380467	0.338314	-0.169408	0.937886
CXorf56	10.4001	11.6106	0.15885	0.800869
CIAO1	21.1313	23.5285	0.155029	0.780031
NUB1	18.7308	15.7181	-0.252985	0.537959
C9orf85	8.03818	5.20057	-0.628199	0.0809491
SLC25A21	1.04066	1.08579	0.0612494	0.967296
ACSL5	0.0229489	0.0345582	0.590606	1
TMEM97	24.4519	45.1264	0.884023	0.00380811
IL18R1	0.155548	0.114837	-0.437771	1
ARMC6	22.7683	48.9653	1.10473	0.00153868
ITGB3BP	16.1634	12.2345	-0.401771	0.311633
PDE7A	1.6269	1.7434	0.0997815	0.912368
SRRT	43.6945	74.5072	0.769927	0.00153868
TMEM51-AS1	0.0855014	0.0819776	-0.0607185	1
ODF3L2	0.76303	0.191347	-1.99555	0.0910503
ADSL	66.9477	65.5309	-0.0308599	0.975492
CASKIN2	4.05816	6.09318	0.586371	0.43048
FOXF1	1.76597	1.77301	0.00574593	0.997592
KBTBD11	3.41815	3.45627	0.0159973	0.989291
MFAP1	18.2141	20.8652	0.196044	0.705202
TMED1	30.1688	37.2237	0.303166	0.452562
CIZ1	111.173	94.4619	-0.235	0.630053
TARBP2	24.5039	36.0979	0.558901	0.0410754
PDCD10	33.9126	25.7079	-0.399608	0.230069
HNRNPK	195.281	184.889	-0.0788905	0.926279
HOXA2	0.141843	0.189687	0.419328	1
COX6B1	415.287	450.242	0.116593	0.864624
PCBD1	203.632	212.274	0.0599652	0.945597
CBWD1	9.34964	11.8666	0.343925	0.384475
FBXL14	2.33631	2.45424	0.0710428	0.960786
SENP6	5.20478	5.37865	0.0474072	0.960251
TRAFD1	10.5433	10.2125	-0.0459875	0.964628
SCFD1	6.85133	6.8255	-0.00544854	0.996948
TRIM21	6.52473	5.8268	-0.163215	0.817355
ARCN1	26.8308	25.6545	-0.0646798	0.938489
RINT1	9.50809	10.5717	0.152985	0.8041
TMUB2	10.3012	9.12315	-0.175203	0.796502
SLC9A6	2.12419	2.28875	0.107651	0.908098

DKFZP434I0714	0.830345	0.755635	-0.136022	0.9183
XRCC6	200.641	221.805	0.144678	0.816962
HIGD2A	247.182	249.512	0.0135363	0.991167
LOC100133331	0.815568	0.642355	-0.344434	0.720043
TWISTNB	5.145	7.11031	0.46674	0.153799
COX11	21.6674	17.5166	-0.306809	0.512706
UBE2Q2P1	0.160086	0.0843599	-0.924216	1
SURF1	46.2528	33.3348	-0.472511	0.12463
CBLL1	6.3737	5.97448	-0.0933162	0.904039
LMBR1	8.39431	8.60458	0.0356939	0.971173
TBC1D10B	22.4512	26.7259	0.251448	0.560215
CDC42SE2	5.55972	6.15668	0.147141	0.822226
PLCH1	0.434639	0.274934	-0.660735	0.214394
MTFMT	11.0762	13.0246	0.233783	0.6214
UBE2V2	22.2663	23.3945	0.0713095	0.934312
PHB2	487.131	456.958	-0.0922482	0.905839
CAPNS1	275.453	264.913	-0.0562902	0.951272
XPO4	2.67707	3.36809	0.331272	0.381366
DPM3	121.644	120.666	-0.0116563	0.992728
TOR1AIP1	15.8572	15.0638	-0.0740496	0.93053
BANP	5.5414	6.51543	0.233611	0.727839
PRIM2	8.37266	5.90664	-0.50335	0.136495
RAB28	9.37013	9.34238	-0.00427798	0.997552
CYP20A1	1.22944	0.849794	-0.532815	0.140535
R3HDM1	3.89062	3.78211	-0.0408092	0.96945
ARHGFE28	10.0517	4.58962	-1.13099	0.00153868
CDK12	4.90576	7.04471	0.522064	0.070307
SCAF8	6.81382	5.25275	-0.375391	0.285746
EIF3G	324.262	301.971	-0.102752	0.905839
EMC2	34.0297	25.6726	-0.406565	0.216389
ERBB2	17.1685	17.7191	0.0455423	0.961952
TAOK2	11.2107	17.3769	0.632297	0.0169799
POLD2	157.198	157.515	0.002905	0.99779
ARHGFE5	3.37407	3.52504	0.0631513	0.952184
DCK	5.72524	5.09442	-0.16842	0.8041
PC	1.38873	1.46448	0.0766231	0.986099
TNFSF13B	0.0539548	0.0599739	0.152584	1
PAFAH1B2	18.8443	23.9084	0.343386	0.317314
SLC25A2	0.0436213	0.0570863	0.388112	1
APTX	16.6994	20.3911	0.288143	0.489743
PSIP1	27.9541	21.3201	-0.390848	0.269117
CTDNBP1	115.599	111.02	-0.0583133	0.948523
DUT	40.108	42.5921	0.0866982	0.909496
CEP135	1.54875	1.01439	-0.610489	0.103663
FGD5-AS1	11.8302	13.0857	0.145526	0.913887
COPZ1	98.0932	91.9595	-0.0931546	0.900997
PPP1R35	70.2855	68.1986	-0.0434851	0.967343
HIF1A-AS2	10.3392	12.5288	0.277133	0.61305
TNFRSF1A	28.5135	46.6607	0.710564	0.00274688

COIL	5.40477	4.88341	-0.146345	0.842721
C9orf16	402.106	407.651	0.0197577	0.984084
GTF3A	117.983	134.91	0.193409	0.732319
TMEM129	25.7024	20.3967	-0.333568	0.363091
YTHDF1	18.2977	21.8658	0.257017	0.536705
BOK	58.1474	65.5828	0.173602	0.74504
PTPN4	0.557735	0.539808	-0.0471331	0.970185
UBE3A	8.9745	9.78557	0.124824	0.846414
PPFIBP2	1.84353	1.5271	-0.271683	0.700497
MAPK1	9.89349	9.94876	0.00803703	0.995019
WLS	36.9003	22.5615	-0.709772	0.216389
KIFAP3	1.94704	1.36689	-0.510388	0.279008
MYBL1	1.0159	1.05791	0.0584658	0.964843
IPO8	7.1494	8.13108	0.185625	0.725739
AMIGO1	2.13687	2.05959	-0.0531452	0.970452
BLMH	15.1938	23.2303	0.612525	0.0204286
JOSD1	21.5803	16.6166	-0.377093	0.257002
CA2	7.86614	14.0856	0.840488	0.00153868
UIMC1	10.9302	10.3712	-0.0757376	0.931457
TADA3	67.5429	42.108	-0.681711	0.251505
FAM134C	16.608	14.7676	-0.169441	0.903596
DOM3Z	11.218	10.9905	-0.0295676	0.98206
IRS2	3.98268	1.44484	-1.46283	0.00153868
DBNDD2,SYS1	209.11	156.632	-0.416887	0.233177
FAM168B	10.3116	10.4885	0.0245317	0.979792
ZSCAN31	1.01279	0.538622	-0.910985	0.0667647
SOCS2	9.22101	7.83336	-0.235293	0.640496
HERC5	0.0592296	0.0276554	-1.09876	1
SIM2	3.38905	3.06402	-0.145456	0.854706
MAU2	7.04642	4.83575	-0.543151	0.0824065
AFG3L2	36.151	38.6846	0.0977256	0.892826
SPDYE7P	1.33229	0.961846	-0.470033	0.319634
VAPB	6.8028	7.19821	0.0815085	0.919811
GTF2F2	24.8663	32.3825	0.38102	0.247848
FANCD2	2.58437	1.74074	-0.570118	0.110718
PLCD3	18.1439	17.9059	-0.0190512	0.985283
LOH12CR2	0.247594	0.192142	-0.365803	1
MEF2D	9.23831	6.19915	-0.575557	0.0388971
HIF1AN	5.93217	5.72061	-0.0523927	0.954981
SNX1	5.86238	6.62822	0.177135	0.732319
IFITM1	1.14608	1.42967	0.318979	0.844936
SCAMP5	22.7678	26.2437	0.204978	0.679281
EMC9	34.8104	31.9581	-0.123337	0.968712
PHRF1	9.16233	14.8753	0.699135	0.00970147
HDGFRP2	39.5319	36.0031	-0.134894	0.836107
PEF1	32.7848	41.1857	0.329115	0.369306
MAPK8	7.66445	6.21647	-0.302088	0.554974
TAZ	20.6097	11.163	-0.884606	0.751293
PSMD7	48.2931	51.338	0.0882085	0.906423

MYO9B	13.2806	16.99	0.355367	0.297593
OMA1	6.49968	3.45976	-0.909695	0.00572929
PPFIA3	4.34182	6.37898	0.555026	0.107753
COQ5	15.863	7.08834	-1.16215	0.00153868
UBE3D	1.55247	2.11547	0.446419	0.462752
C9orf116	26.2875	27.3014	0.054598	0.961236
PKN3	78.6274	69.1643	-0.185004	0.772124
DAP	36.3188	39.5073	0.121403	0.852765
WAC-AS1	18.0246	22.5434	0.322734	0.37405
SMC1A	4.91249	6.32224	0.363981	0.284373
ITM2C	102.712	92.4224	-0.152288	0.795819
ECE2	45.0687	64.1542	0.509418	0.258195
LAPTM4A	86.1208	71.3647	-0.27115	0.498179
ADORA2A	1.31232	1.11978	-0.228911	0.849369
MRPL27	67.9477	110.98	0.707804	0.00659556
METTL7B	3.32336	1.93913	-0.777234	0.422872
FBXW11	8.59839	9.94237	0.209524	0.668626
PTP4A1	14.4446	15.1357	0.0674254	0.93571
PTPRG	1.27631	0.769333	-0.730294	0.048028
DOCK11	0.741582	0.36796	-1.01106	0.0137404
TRAPPC2L	81.9325	104.274	0.347875	0.337742
TMEM69	43.3768	29.5755	-0.552522	0.0525851
APOE	0.765589	1.3783	0.848245	0.444812
FSTL3	39.092	37.0853	-0.076026	0.925922
CCNH	28.7307	27.5289	-0.0616484	0.946416
AGK	12.0883	10.2558	-0.237168	0.61305
KCTD17	23.7384	33.5179	0.497713	0.0956889
ATP5SL	28.8766	29.0174	0.00701822	0.994734
RAB11B	91.3222	69.3484	-0.397103	0.21791
SFR1	4.9279	3.02536	-0.703866	0.0741309
SERINC2	32.6306	21.1117	-0.628182	0.0313688
SMTN	89.75	105.413	0.232073	0.614359
ZNF32	26.4262	21.467	-0.299852	0.519345
CLCC1	5.50681	4.5663	-0.270193	0.578167
PITPNB	18.6501	28.7987	0.626824	0.0181648
NKD2	13.7932	13.3092	-0.0515326	0.96256
PI4K2A	16.1395	13.9785	-0.20739	0.673957
LCN2	0.0934665	0.0463041	-1.01331	1
LOC100130557	0.527779	0.535845	0.02188	0.997314
WAC	23.3568	19.686	-0.246673	0.571471
USP8	4.54909	3.65133	-0.317159	0.433155
PRR14L	1.70883	1.77096	0.0515192	0.95904
TLE3	8.80321	9.17727	0.0600351	0.948152
PRCC	22.8795	35.2158	0.622164	0.0238313
ZNF320	2.51279	2.21002	-0.18523	0.765253
FAM57B	0.309884	0.101151	-1.61521	1
RNF220	42.1432	46.0272	0.127186	0.842721
PATZ1	19.8904	22.1881	0.15771	0.80005
LOC100130015	3.71998	3.35183	-0.150346	0.945857

MCTS1	2.9735	2.41547	-0.299856	0.455871
ABHD14B	47.8095	26.3975	-0.856898	0.00153868
SNAPC5	8.65417	9.59196	0.148429	0.970533
KIAA1967	39.1129	51.0546	0.384396	0.302835
ARPC3	282.768	281.38	-0.00709702	0.994734
HCLS1	0.39071	0.220229	-0.827092	0.400946
PDLIM5	3.1783	2.57111	-0.305864	0.628025
GPKOW	9.46404	8.52614	-0.150564	0.818403
MAZ	128.721	170.023	0.401477	0.224437
COG4	10.3675	6.57805	-0.656334	0.0192959
CCNA2	17.2194	20.1417	0.226152	0.76721
FKBP15	27.6782	14.8745	-0.895907	0.00153868
KCTD10	10.5925	11.2289	0.0841819	0.916694
HERPUD2	6.75191	3.86622	-0.80437	0.0103919
TMEM128	14.1358	8.56715	-0.722465	0.0111246
CSNK1G3	6.278	5.92644	-0.0831395	0.922274
IRAK1	146.636	168.039	0.19656	0.70055
CLN8	2.40495	2.30947	-0.0584423	0.95594
C15orf41	2.15242	1.3605	-0.661824	0.112063
ANKRD39	20.3056	36.3144	0.838664	0.00380811
ITSN2	1.34038	0.949148	-0.497936	0.238719
CDK16	43.2268	48.9183	0.178448	0.730925
DTX3L	1.59763	1.75682	0.137033	0.897332
DVL2	31.0306	25.5792	-0.27872	0.480434
ZNF48	10.8186	13.3476	0.303059	0.463776
KIF7	9.16177	16.0681	0.810503	0.038486
CHCHD5	37.2117	27.913	-0.41482	0.326259
WBP2	145.33	78.4769	-0.888992	0.00153868
LTV1	14.7234	25.5967	0.79785	0.00153868
ZSCAN22	1.32991	1.67986	0.337016	0.556458
GTF2I	1.05384	1.1818	0.165334	0.866567
SMC3	9.62433	11.5055	0.257562	0.541442
UBE2B	23.4808	19.4217	-0.27381	0.494899
EEF1D	1397.08	1428.97	0.0325616	0.976572
KIF13B	1.61832	0.99729	-0.698412	0.0420136
LOC643406	0.165051	0.140848	-0.228777	1
MRPS18B	81.5362	55.8615	-0.545586	0.0545989
POLB	22.4361	17.2376	-0.380258	0.283957
OIP5-AS1	8.20293	7.64443	-0.10173	0.907121
CUZD1,FAM24B	10.2709	7.65118	-0.424813	0.500155
NDUFAF3	70.0555	66.2225	-0.0811756	0.971684
PRDM16	1.5778	1.20297	-0.391324	0.400688
LRRFIP2	9.01477	8.29659	-0.119771	0.866944
BRAP	5.2241	5.09904	-0.0349555	0.974348
LOC440894	1.5285	2.79558	0.871025	0.0370145
MAP4K2	16.164	11.4419	-0.498466	0.101333
GRAMD4	9.3012	8.4587	-0.136981	0.840828
CDYL	7.1322	6.8656	-0.054962	0.95448
DIMT1	27.7088	32.7999	0.243346	0.58376

NCOR2	9.1273	6.48531	-0.493013	0.0999675
CARM1	51.0015	48.0503	-0.0859925	0.925922
CHPF2	38.4895	49.5771	0.365208	0.463186
GEMIN7	24.1053	29.7718	0.304594	0.432985
NAA35	9.24298	9.02992	-0.033645	0.974348
ZNF74	8.04271	8.42066	0.0662515	0.943284
PTPLB	0.679437	0.737392	0.118092	0.953878
TMEM87A	10.0516	10.3613	0.0437777	0.964843
SYT15	0.770961	0.92619	0.26465	0.861337
LOC284385	2.33458	1.12574	-1.05229	0.0143403
TOPORS	2.72381	2.58849	-0.0735145	0.949638
SNHG16	136.598	138.577	0.0207563	0.982142
PIBF1	1.70377	1.69697	-0.00576693	0.999187
KCNJ11	5.55185	4.06501	-0.449708	0.274062
HMGNA4	51.9268	48.1304	-0.109533	0.872122
GAPVD1	6.26649	7.44063	0.247767	0.568684
USP35	2.70275	3.46753	0.35948	0.459785
TFPT	11.4925	13.497	0.231943	0.935808
GCLM	3.01041	7.18645	1.25532	0.00153868
PDXDC1	10.6077	14.0706	0.407576	0.195931
KIAA1704	3.01694	2.86556	-0.0742709	0.955281
MRPL47	36.3735	42.1273	0.211867	0.659662
AMOTL2	21.1407	7.02573	-1.5893	0.00153868
HIGD1B	0.145473	0.266529	0.873538	1
LOC728323	0.343985	0.172109	-0.999018	1
HDAC9	6.91378	1.5211	-2.18436	0.00153868
NCAPD3	1.43103	2.21061	0.62739	0.0719976
ZSWIM7	9.32192	8.07308	-0.207508	0.908161
ERP44	15.4262	14.0357	-0.136284	0.821611
FLJ27352	1.32829	0.472828	-1.49018	0.773721
BRPF1	5.49929	6.98625	0.345274	0.377663
SPTY2D1	2.63584	3.86355	0.551665	0.0676413
CHRD	2.09785	1.82453	-0.201388	0.835783
SENP1	3.14812	3.71903	0.240436	0.92475
PCBP4	43.9818	51.4868	0.227296	0.6172
LOC440356	0.170193	0.0465182	-1.8713	1
REEP6	26.0534	16.9055	-0.623977	0.0564873
NUP50	9.88991	14.5808	0.560044	0.0410754
CDNF	1.92183	0.550116	-1.80467	0.00153868
GTF2E2	21.5357	26.0967	0.277134	0.496751
ENTPD2	159.174	119.158	-0.417739	0.171813
ECM1	1.26096	1.02521	-0.298602	0.755384
CTC1	2.65948	2.27049	-0.228137	0.687762
BCAT2	98.0289	83.1532	-0.237435	0.60666
ERCC6,PGBD3	1.54255	1.0655	-0.53378	0.314558
RXRA	16.1358	16.6949	0.0491447	0.957719
POMGNT1	31.9313	31.2477	-0.0312181	0.975592
OSTF1	15.7305	15.0971	-0.0592876	0.951495
ARIH2OS	1.77003	0.819086	-1.11169	0.876936

ZNF571	0.724228	0.7259	0.00332683	0.999234
TCTN3	22.6208	20.281	-0.157521	0.782739
STAG3L4	6.01206	4.55029	-0.401899	0.336542
PKI55	1.33755	1.54751	0.210351	0.795819
MIOS	6.85608	6.91769	0.0129069	0.991637
PREB	42.3232	71.3492	0.753447	0.00153868
RABEPK	44.195	48.3753	0.130389	0.837945
KIF5B	14.3731	19.2585	0.422118	0.172098
ZFP36L2	7.54185	10.5102	0.478798	0.146193
NMU	17.4863	24.1394	0.465163	0.225099
ZDHC18	26.2647	39.9643	0.60559	0.0204286
C19orf55	1.52071	1.43607	-0.0826117	0.960032
JKAMP	15.303	15.9226	0.0572602	0.952184
CMTM7	82.9958	100.694	0.278866	0.484342
TIMM22	24.6338	45.9319	0.898859	0.00153868
ZNF565	0.677189	0.406547	-0.736136	0.929145
MEF2A	4.11197	2.97235	-0.468224	0.1743
IQSEC2	7.19964	5.09946	-0.497582	0.403353
DDX3X	31.2184	49.3869	0.661731	0.00897284
TMEM156	0.0958277	0.0338755	-1.5002	1
GRAMD1A	81.0918	49.4407	-0.713858	0.00478151
PAK1IP1	15.7538	25.6015	0.700526	0.00897284
PKN1	113.808	75.0992	-0.599728	0.0204286
MARCH9	14.6903	16.0637	0.128941	0.849988
TLE4	0.547113	0.357855	-0.612463	0.316048
TRRAP	5.48291	6.57469	0.26198	0.532219
RMI1	1.99928	1.99132	-0.00575143	0.997224
SERAC1	3.33244	3.55701	0.094088	0.91609
TSG101	37.6672	21.9238	-0.780813	0.00153868
SYK	8.91154	9.08518	0.0278397	0.977897
CTRL	1.41559	3.03041	1.09811	0.490469
CTBP1	43.037	50.6867	0.236029	0.600049
MPRIIP	8.84986	9.56099	0.111506	0.872776
ATG5	8.14607	9.76674	0.261773	0.549884
MYH10	0.0623089	0.118045	0.921827	1
BTNL9	2.82414	2.47502	-0.190373	0.802416
BAX	206.617	233.3	0.175225	0.746108
EIF4H	194.714	189.082	-0.0423438	0.964843
ZFYVE26	1.64082	1.94218	0.243253	0.647649
POMT1	21.1324	20.0689	-0.0744949	0.96692
FOXP4	8.65088	10.4405	0.271266	0.522427
KCNH2	20.0542	19.6925	-0.0262615	0.978818
CPT2	10.6628	6.17624	-0.787791	0.064033
ARHGGEF35	1.5847	1.35372	-0.227278	0.799901
TMEM126A	28.6842	22.1384	-0.373709	0.336737
ACTL10	2.5711	3.22802	0.328264	0.929225
HELZ2	2.64301	2.41166	-0.132157	0.879055
TNPO3	15.1307	18.8279	0.315388	0.38504
EPHX1	16.5449	14.0308	-0.23779	0.773599

FKBP3	37.5483	35.9409	-0.0631226	0.960032
EML4	4.71302	5.77624	0.293479	0.4662
FOXO1	1.26454	1.2899	0.0286439	0.981735
GABRB3	0.858089	0.426164	-1.00972	0.0169799
CS	67.701	69.2818	0.0332993	0.974348
COG3	2.43112	2.32065	-0.0670918	0.948849
PSMC1	83.9323	100.976	0.266721	0.508463
RSG1	1.77064	2.10915	0.252393	0.820487
C21orf59	38.0363	47.4476	0.318958	0.396799
CHST15	8.60021	9.43177	0.133155	0.840893
BAG6	58.2259	44.8702	-0.375904	0.26191
HSPA14	17.4046	25.0402	0.524783	0.0680503
IL10RB	18.9925	10.2421	-0.890918	0.00153868
FAM3C	20.0865	27.654	0.461261	0.107753
PELI3	10.3996	9.20712	-0.175711	0.783261
TRAF3IP2-AS1	3.2718	2.85453	-0.196829	0.962865
GUSBP2	0.233288	0.157714	-0.564801	1
QRSL1	4.56405	4.10481	-0.153	0.820912
WASH7P	9.62146	6.40027	-0.588123	0.106278
DCTN6	18.2569	14.3106	-0.35136	0.862725
KLHDC3	48.1915	37.7899	-0.350778	0.295083
SLC16A1	37.756	52.7564	0.482642	0.0956889
ABHD14A,ACY1	103.452	71.4602	-0.533749	0.0717202
GSR	21.8639	23.0967	0.0791329	0.919811
MAP3K4	2.0339	2.55043	0.326486	0.479413
SLC4A1AP	7.40743	7.98798	0.108857	0.959358
MSL3	14.5914	12.3503	-0.240567	0.61138
UBE2G2	21.7203	36.1735	0.735888	0.00274688
ZNF638	5.51219	6.05723	0.136033	0.825017
TMEM181	4.33431	6.22983	0.523389	0.0857306
FXN	9.50724	12.0059	0.336651	0.717705
ERO1LB	1.6331	1.54046	-0.0842573	0.937886
STMN1	182.58	171.487	-0.0904304	0.9027
SERP1	46.514	50.0337	0.105235	0.880754
ARPC2	212.007	235.63	0.152411	0.785473
LINC00574	0.0968754	0.116329	0.264005	1
SLC29A2	14.119	23.9539	0.762618	0.00274688
PPIH	79.8063	96.0905	0.267891	0.508043
CAP1	74.5648	84.0591	0.17291	0.748993
LOC401321	2.65622	2.62342	-0.0179307	0.988327
DDN	4.92284	5.28927	0.103579	0.906423
NDUFAF5	5.97127	7.57931	0.344027	0.418308
SAP18	44.0083	55.9982	0.347605	0.315138
PPDPF	573.532	505.3	-0.182735	0.727043
XYLT2	16.1412	18.1896	0.172365	0.757598
TXN2	98.7625	97.1485	-0.0237714	0.981019
RHEB	87.5103	78.7053	-0.152991	0.79372
SHMT1	16.9005	15.0935	-0.163137	0.849345
COG1	7.69401	6.34852	-0.277315	0.794913

GTF3C4	5.74642	7.13758	0.312773	0.776769
AUTS2	1.79481	2.06212	0.200302	0.765338
PCDHB8	1.52188	0.843463	-0.851458	0.100178
FOXP1	2.87683	2.35689	-0.287595	0.705567
VTI1B	70.7684	72.6153	0.0371692	0.978818
AUNIP	6.53828	7.80436	0.25537	0.629465
RBM18	7.62973	8.20709	0.105239	0.952978
NMNAT1	2.57246	2.18077	-0.238314	0.698819
CYGB	0.241897	0.124139	-0.962444	1
AP3S2,C15orf38,C	14.0822	11.0427	-0.350788	0.433392
MTHFD1	33.6777	33.526	-0.00651137	0.994734
CHCHD4	15.7892	24.2733	0.620438	0.0270318
HOXC8	2.45662	4.45854	0.859893	0.0163491
CNPPD1	44.9615	26.472	-0.764223	0.00478151
CCDC58	45.4269	55.9387	0.300299	0.463667
HUWE1	7.17652	6.18119	-0.215399	0.637815
FARSA	101.598	141.789	0.480871	0.101539
SLC25A15	5.2702	7.85855	0.576404	0.0519269
CDKN2D	9.64733	7.72129	-0.321288	0.581794
GSDMD	51.0798	43.866	-0.219651	0.637815
C17orf70	14.2752	23.6902	0.730775	0.0111246
IK	21.1739	18.9077	-0.163309	0.774294
WASH3P	12.081	10.0608	-0.263994	0.59589
KRI1	20.7005	30.7512	0.570978	0.0943483
RPIA	16.9254	34.2895	1.01857	0.00153868
HNRNPR	50.7568	79.0676	0.639485	0.0123712
TDP1	8.45594	8.64618	0.0320971	0.975492
INPP5F	4.54861	4.90108	0.107673	0.940964
TBRG4	74.2219	99.6017	0.424325	0.168476
HMGA1	1329.94	1076.51	-0.305002	0.45332
FLJ31306	11.1929	8.04464	-0.476478	0.652628
VPRBP	2.49164	3.13324	0.330558	0.817355
NOMO1	14.1292	16.7097	0.241998	0.574478
RAC1	127.36	138.559	0.121585	0.850643
ABCC2	0.145114	0.119361	-0.281857	1
BCAS3	2.72954	1.12332	-1.28089	0.00153868
OLFML2B	0.448837	0.33764	-0.410706	0.704775
XPNPEP3	4.9354	3.80433	-0.375525	0.525673
SEC14L1	15.0849	14.4032	-0.0667111	0.947567
ATXN7L2	8.6242	10.1952	0.24143	0.646622
FLJ42351	0.813304	0.0648978	-3.64755	0.551241
ARL8B	21.1551	19.0396	-0.151996	0.791229
XPO1	27.5459	26.7452	-0.0425589	0.964843
PRPF19	86.6399	112.284	0.374053	0.250712
ZNF34	1.80638	1.37232	-0.39649	0.565953
AK2	74.4536	79.628	0.0969331	0.897332
ERF	28.2393	39.7909	0.494732	0.089127
MCM3	25.4733	47.3916	0.895648	0.00153868
SC5DL	2.64832	2.92334	0.142539	0.831834

HOMEZ	2.76311	2.03111	-0.444024	0.297593
ZNF232	10.429	17.6207	0.756668	0.00478151
LRRRC57	3.93782	3.39226	-0.215151	0.757031
TBC1D28	0.0311378	0.0105064	-1.56741	1
ATP13A2	20.4886	26.6148	0.377411	0.26617
BCL7A	8.4523	7.16278	-0.238824	0.629512
BLOC1S2	16.5141	17.4604	0.0803885	0.919811
PHF12	3.86216	5.28451	0.452363	0.207194
MOB3A	8.48646	11.0735	0.383875	0.303595
PLOD3	48.8753	61.6338	0.334616	0.648214
DAD1	225.049	238.935	0.0863772	0.907121
MED16	26.2093	26.2955	0.00473769	0.996244
GLUL	22.467	28.9431	0.365411	0.274831
LOC728875	0.140759	0.156011	0.148417	1
PRDM4	10.4329	10.609	0.0241574	0.980465
PSEN2	7.20949	10.3124	0.516413	0.127654
FJX1	30.5685	42.4102	0.472365	0.123872
SUGP1	16.9423	16.2908	-0.0565723	0.952807
MLL2	1.88226	2.91951	0.633262	0.0232503
INTS6	1.83088	1.97988	0.112881	0.91207
TRAF3	4.38027	7.07757	0.692234	0.0117316
PCMT1	53.2201	59.1858	0.153282	0.809839
NRP1	0.95859	0.827889	-0.211477	0.861774
PODXL	27.9897	18.7026	-0.581657	0.0294837
BRD7	27.1457	27.2791	0.00707256	0.994734
SLC9A3R1	50.6474	80.4281	0.667212	0.00897284
PDZD11	19.0045	19.2277	0.0168452	0.987173
LOC550643	91.8121	87.4398	-0.0703945	0.934604
FBXO18	19.9663	20.5628	0.0424679	0.970185
BBS1	4.17757	3.2143	-0.378157	0.390341
TDRD7	5.38243	4.57665	-0.233966	0.644608
C11orf92	0.0886102	0.0607958	-0.543501	1
VPS37C	12.8947	9.01083	-0.517046	0.101925
UMPS	5.41003	8.53575	0.657882	0.0123712
NDUFV1	179.497	162.234	-0.145886	0.8041
LY6E	440.1	445.264	0.0168293	0.987173
C17orf96	24.1329	41.8743	0.795065	0.00274688
ITFG1	10.1385	6.19309	-0.711115	0.0143403
TMEM164	2.35556	2.68214	0.187316	0.780725
PDK2	18.5217	14.9907	-0.30515	0.578405
LOC100093631	0.429384	0.393127	-0.127273	0.939068
CCNL1	22.3153	18.8779	-0.241339	0.578405
ROMO1	442.186	508.507	0.201614	0.748685
ORAOV1	6.61766	8.05251	0.283117	0.574393
ACYP2	3.58851	4.0625	0.178982	0.861337
ZNF263	11.9652	17.9105	0.581964	0.0329313
RIN2	0.0240475	0.0225541	-0.0924949	1
CALM3	81.6481	108.619	0.411784	0.186554
SENP5	3.83452	5.5457	0.532324	0.0695357

SHF	5.39079	2.98637	-0.852104	0.0169799
MFSD6	1.71814	1.60496	-0.098308	0.922102
C11orf30	0.701892	0.833522	0.247971	0.749866
STAT6	34.1231	35.0763	0.0397492	0.974573
FAM204A	11.741	11.8949	0.0187931	0.98583
AGAP3	39.6256	57.1648	0.528693	0.089127
UBE2J1	10.9336	11.0834	0.019628	0.984825
COA6	68.495	71.451	0.0609549	0.945857
ORC3	9.2874	5.26326	-0.819318	0.00274688
DLST	47.5183	41.7487	-0.186751	0.720194
FAM86B1	5.27362	1.73454	-1.60424	0.00153868
COL1A1	0.0525623	0.0499038	-0.0748764	1
HSPA4	44.3514	76.0882	0.778694	0.00153868
MDC1	4.27178	3.97803	-0.10278	0.894574
PSMA2	99.5173	108.277	0.121712	0.852554
GADD45GIP1	216.367	296.631	0.455191	0.129159
BTBD9	1.49236	1.40771	-0.0842397	0.934043
GRSF1	24.5662	24.7962	0.013448	0.991035
TXNDC15	8.62169	8.11965	-0.0865536	0.917559
FAM53C	15.9291	14.3395	-0.151673	0.792429
LOC100132352	5.02591	4.23872	-0.245755	0.739148
SRP14	217.814	244.927	0.169252	0.760301
RP9P	8.71076	12.4719	0.517805	0.147009
ATXN10	23.7655	22.2805	-0.0930869	0.900069
ATP5I	734.512	889.526	0.27625	0.477694
PTBP1	143.036	171.199	0.259293	0.552737
PROB1	0.631654	1.02235	0.69468	0.387821
RAB23	2.0241	2.65547	0.39169	0.42256
MRPL36	110.449	193.716	0.810558	0.00153868
ERCC1	237.916	186.899	-0.348194	0.383128
TNFAIP1	12.1643	12.271	0.0125981	0.995019
UGDH	7.1871	11.7748	0.712225	0.00970147
TMPO-AS1	1.09787	0.697862	-0.653691	0.922851
SIGIRR	45.4502	48.0849	0.0812973	0.920543
PNRC2	41.3961	34.8669	-0.247637	0.555312
PDE4D	2.50949	1.31981	-0.927064	0.00153868
LOC100289187	0.901675	0.749032	-0.267581	0.86364
GALNT18	34.5033	24.9449	-0.467993	0.108649
C3orf17	9.28212	8.77276	-0.0814238	0.919076
TMEM141	153.926	124.648	-0.304381	0.405874
TPRG1L	19.3856	27.5206	0.505531	0.0729664
MPST	153.175	135.834	-0.173336	0.825529
MTX2	37.5246	24.6689	-0.605145	0.0276283
PTPN1	23.477	24.8978	0.0847716	0.912292
DUSP4	0.531098	0.560771	0.0784348	0.958439
EPHB2	8.70314	8.90091	0.0324164	0.975484
CCDC113	1.72125	0.666097	-1.36965	0.00274688
ZCCHC3	14.4795	16.6392	0.200572	0.708873
PRDX1	519.655	891.107	0.778045	0.00274688

COMMD7	29.3875	27.2716	-0.107803	0.879055
GTF2E1	4.70789	6.63311	0.494605	0.140298
ZFH3	1.0933	1.05525	-0.0511074	0.96385
LRPAP1	16.0913	19.483	0.275933	0.489743
ACTL6A	29.769	25.4669	-0.225183	0.633758
SF3B5	285.847	413.225	0.531687	0.0533774
TYK2	18.9834	19.0867	0.00783376	0.994475
ARL6IP4	203.975	206.825	0.0200178	0.983529
BBS7	2.77267	2.5013	-0.148601	0.85595
MRPL3	55.4964	64.4716	0.216269	0.637815
RPS6KA2	0.250139	0.18869	-0.406711	1
AAMDC	24.3834	20.1447	-0.275501	0.646322
SGOL1-AS1	1.46628	0.798584	-0.876647	0.879055
NAA15	8.19135	14.3365	0.807522	0.0512103
LMO2	2.41811	0.785814	-1.62162	0.00153868
EPB41L4B	6.31255	7.19912	0.189596	0.727874
GOLGA3	5.85033	8.01107	0.453476	0.123524
ADAM8	0.814747	0.575461	-0.501632	0.518305
ZCCHC10	3.70385	5.39072	0.541454	0.136495
PACSIN3	40.7861	39.5415	-0.0447123	0.963969
BRD8	11.785	11.2299	-0.0695985	0.935543
MASTL	5.49868	4.53917	-0.276658	0.550046
KDM4D	0.391354	0.296075	-0.40251	0.723759
PSMD4	171.098	124.857	-0.454538	0.133324
TAF6	40.6536	38.1202	-0.0928295	0.974593
ALKBH3	20.5127	15.1025	-0.441731	0.186554
APOBEC3F	3.01496	1.93365	-0.640814	0.431436
PDIA5	9.47171	9.36592	-0.0162036	0.990737
MAP7D1	38.004	56.3308	0.567773	0.0347593
NAA30	3.8968	4.17388	0.0991	0.902992
POLD4	26.7526	12.6211	-1.08384	0.00153868
MAP4K4	8.04588	8.737	0.118887	0.860592
PPP6R3	11.6717	12.8142	0.13472	0.824472
NOA1	38.8268	18.4702	-1.07185	0.00153868
SLC15A4	9.95757	11.3597	0.190056	0.736305
BIRC6	1.90179	2.00618	0.0770957	0.926251
C8orf82_LRRC24	83.0147	80.0257	-0.0529025	0.969901
LIPE	2.79535	2.79137	-0.00205351	0.999201
LSM7	256.736	316.44	0.301647	0.417991
PFN4	0.31431	0.108355	-1.53642	1
SPTBN2	13.3493	12.8666	-0.0531292	0.952795
ZNF142	2.78906	4.43181	0.668116	0.0215444
UBR4	5.75268	3.88279	-0.56714	0.0334318
WDR75	10.6739	11.722	0.135126	0.836347
CFD	23.6252	18.4718	-0.355004	0.458976
LINC00339	11.5384	5.45831	-1.07992	0.00274688
TXN	839.401	1062.32	0.339787	0.343293
ZNF862	1.45278	0.569828	-1.35022	0.00153868
PLEKHM2	33.8864	29.0659	-0.221382	0.626866

MRPL11	43.8456	48.5198	0.146141	0.802361
PITRM1-AS1	0.388645	0.405213	0.0602295	0.994017
FAM173A	74.847	128.753	0.782591	0.00897284
CARKD	23.0107	27.4584	0.25494	0.564038
KLF12	0.363	0.114762	-1.66133	1
EPB41	3.83685	3.32779	-0.205358	0.785339
NR1H3	3.70996	1.50849	-1.2983	0.267401
BSDC1	18.6772	16.9417	-0.140694	0.825583
RHOBTB2	3.98557	5.46402	0.455176	0.825017
PARK7	340.11	383.59	0.173564	0.751293
LPIN1	7.75157	7.31497	-0.0836366	0.91609
TNRC6B	1.26581	0.719373	-0.815252	0.00478151
NDUFS2	59.1235	46.0676	-0.359979	0.295083
XRN2	23.3723	24.6353	0.0759249	0.92475
KIAA1671	1.96159	2.03117	0.0502873	0.962687
FAM211A	2.7916	1.52022	-0.876813	0.905839
TBCA	314.553	294.82	-0.0934681	0.901045
USP15	4.23453	4.13419	-0.0345991	0.979254
APH1A	115.043	106.585	-0.110163	0.875956
CHRA1	30.5725	34.8836	0.190311	0.703945
USP10	27.7073	32.3644	0.224139	0.623241
CENPQ	6.11	4.91989	-0.312544	0.51789
CLDN12	13.6599	10.5337	-0.37494	0.274536
EXOG	3.43003	4.81889	0.490479	0.179759
LOC100134868	0.628517	0.591505	-0.0875619	0.967653
HDAC7	18.9776	25.994	0.453883	0.217005
ITPR3	54.0298	32.4694	-0.734673	0.00274688
GEMIN2	8.70697	8.84647	0.02293	0.984084
RWDD2B	10.3747	8.75575	-0.244773	0.641512
LINC00346	1.88848	1.05978	-0.833463	0.00897284
SNAP23	25.9365	32.5106	0.325926	0.360716
PPP4C	152.497	167.41	0.134605	0.828523
PSMC3IP	21.7528	29.3869	0.433969	0.529976
SERTAD1	86.8832	121.682	0.485965	0.093011
SOD2	31.1344	54.5998	0.810386	0.00153868
PKP2	3.10376	2.47054	-0.329187	0.484507
FGF5	0.926001	1.06581	0.202865	0.796502
NTHL1	35.7712	49.5468	0.469996	0.142786
MRPL42P5	0.729561	0.587345	-0.31282	0.87748
SLC35E2B	6.64797	3.55808	-0.901817	0.0824065
ZNF714	0.500933	0.373199	-0.424675	0.446894
C16orf91	31.6502	51.6402	0.70628	0.0130226
NUP155	5.86669	4.11794	-0.510623	0.0981523
NR2F1	4.34107	6.32502	0.543017	0.384547
TMEM150A	12.6038	21.088	0.742556	0.00478151
TMEM245	6.16174	4.67468	-0.398472	0.218306
MARS2	8.07993	10.6603	0.399831	0.268373
CERS2	79.5522	90.2673	0.182301	0.7251
TMEM248	17.3952	22.1294	0.347277	0.307003

USP18	3.12354	2.39128	-0.385398	0.50556
UNKL	4.50414	5.5226	0.294097	0.818403
XKR8	10.8226	12.6988	0.230643	0.677271
GATA4	7.72994	9.56111	0.306721	0.491102
ATOX1	123.675	158.088	0.354169	0.3056
ABCF3	21.1314	28.7149	0.442406	0.142274
SSB	52.7202	71.9785	0.44921	0.239387
NAA50	17.8139	35.3005	0.98668	0.00153868
FDX1	8.11485	9.19483	0.180258	0.751293
MAMSTR	1.20751	1.27116	0.0741154	0.971986
CCNO	19.0029	29.2814	0.623766	0.0592362
SUGT1	28.3041	33.6635	0.250176	0.557559
PAR6G	2.73735	2.20022	-0.315134	0.593222
MGRN1	18.853	21.1276	0.164335	0.774218
TFG	59.4475	53.101	-0.162875	0.772942
SRSF8	7.37354	8.66253	0.232432	0.622746
TCEAL4	51.6237	45.2437	-0.190317	0.700524
ATP6V1F	653.044	608.416	-0.102123	0.883896
EFR3A	5.14218	6.44827	0.326532	0.385949
DEPDC5	1.37962	1.36905	-0.011095	0.994068
FERMT3	0.401826	0.537646	0.420086	0.949
MARC1	8.83011	8.24326	-0.0992165	0.908249
DENR	22.9827	22.9655	-0.00108343	0.999234
SETD2	2.58414	2.72927	0.078835	0.928237
HMGB2	190.034	106.329	-0.837727	0.00153868
MGC2752	11.8942	12.1599	0.0318771	0.976134
CUBN	0.919369	0.515283	-0.83528	0.00897284
IPPK	7.22192	11.3617	0.653725	0.160554
HEG1	2.23748	3.14038	0.489068	0.120157
R3HDM2	7.76255	2.99285	-1.37501	0.00153868
TMEM201	8.94462	15.9231	0.832032	0.00380811
MALT1	4.76528	3.42612	-0.475985	0.130936
FURIN	21.0026	25.562	0.283432	0.465794
BAG5	5.80651	7.49874	0.368979	0.278619
TYW5	1.64984	1.81212	0.135353	0.939306
NDUFA4	73.5786	76.4358	0.0549623	0.952184
MAK16	8.38733	11.5434	0.460779	0.235458
DDX19A	12.7661	23.174	0.860195	0.00153868
ADORA2B	35.3632	26.5396	-0.414103	0.197402
LUZP1	3.69101	4.35035	0.237117	0.599713
DHFR	12.2201	13.8076	0.176214	0.877622
CES2	9.26416	9.67783	0.0630234	0.946021
DHX38	13.5154	18.1717	0.42709	0.318494
PCDH11Y	0.0254993	0.0382956	0.586722	1
C3orf37	38.3392	42.6714	0.154449	0.782409
HCCS	11.3314	15.3531	0.438202	0.170392
POLR2J	113.408	119.25	0.0724711	0.954167
ZNF865	8.3592	9.51425	0.186724	0.748388
ZNF815P	0.59668	0.55872	-0.0948319	0.957147

GUSB	25.8823	22.5294	-0.200159	0.689772
SLC38A2	34.838	35.9745	0.0463111	0.963969
COX5A	352.677	352.633	-0.000181949	0.999612
EPHA10	0.89815	0.543464	-0.724773	0.167611
NPR2	2.02732	3.42694	0.757345	0.0365493
SUSD4	0.515861	0.270827	-0.929613	0.421202
LRPPRC	31.5022	24.9416	-0.336898	0.345931
STAM	6.91324	5.8328	-0.245171	0.601631
SCAND1	157.239	174.072	0.14672	0.816507
GP1BB,SEPT5	8.74857	8.8996	0.0246924	0.991167
PFKFB1	0.169388	0.0555879	-1.60749	1
ATP6V1G1	112.013	109.57	-0.0318036	0.974593
VOPP1	22.2915	24.0495	0.109517	0.874955
PSMD14	90.3328	78.9333	-0.194617	0.694688
MRPS24,URGCP,	320.274	357.531	0.158759	0.80786
MPV17	44.731	32.9439	-0.441264	0.166637
EAF1	5.31908	4.91	-0.115454	0.876957
SMG8	6.74908	8.1037	0.26389	0.553813
IFI27L2	203.416	187.706	-0.115964	0.864901
AP2A1	27.5727	19.8931	-0.470972	0.125565
BLM	1.99217	2.03127	0.0280388	0.981441
ATP8B3	0.352532	0.137299	-1.36044	1
TMEM186	13.7862	16.7674	0.282439	0.531391
NFKBIE	10.9546	19.7054	0.847052	0.00153868
CYC1	241.555	274.937	0.18675	0.723744
GLUD1	41.2058	35.5326	-0.213703	0.646705
SCNM1,TNFAIP8I	11.4375	10.9074	-0.0684607	0.946416
LOH12CR1	4.30113	3.62712	-0.245892	0.726353
RPS6KA3	3.44119	3.69006	0.100737	0.89325
GXYLT1	1.56566	1.53878	-0.0249794	0.981441
SAMD4B	11.1076	10.7305	-0.04983	0.958971
TP53I13	56.5196	39.9947	-0.498941	0.0956889
DEDD	20.0838	18.8003	-0.0952832	0.970539
PLEKHN1	2.1094	1.3301	-0.665301	0.250712
DIXDC1	0.816704	0.987827	0.274444	0.698716
VPS35	15.9691	12.2763	-0.379401	0.246092
MRPS36	21.2698	19.872	-0.0980678	0.89785
RBM4B	9.86071	9.19238	-0.101254	0.978818
GTPBP3	21.8086	41.8823	0.941441	0.00153868
EBAG9	18.2041	16.6064	-0.132523	0.848653
C2orf44	3.16065	5.9901	0.922359	0.00153868
C20orf27	133.878	188.379	0.492711	0.0726643
MAN2B2	10.5843	8.03232	-0.39804	0.255196
NXPH4	40.3198	41.7002	0.0485659	0.961447
FZD6	9.16806	5.56231	-0.720933	0.00659556
PARG	3.99715	4.41381	0.143054	0.878064
EFTUD2	38.9069	46.4132	0.254507	0.552049
CASKIN1	11.7343	13.8037	0.234313	0.852189
SELK	55.4273	57.1205	0.0434126	0.964843

DDX6	12.1845	14.0225	0.202698	0.667641
UBE3B	6.31082	5.49546	-0.199587	0.791862
C11orf73	30.8026	30.2083	-0.0281076	0.978016
LIPA	11.887	11.4597	-0.0528133	0.954981
SMARCC2	15.3911	10.7541	-0.51721	0.0653297
ABLIM2	0.419767	0.16726	-1.32749	0.0564873
ZNF207	50.4237	84.5858	0.746315	0.00380811
MUS81	28.0553	22.8579	-0.295577	0.452172
RSPH10B	0.0259048	0.0339562	0.390457	1
BCR	9.45676	12.4842	0.400682	0.217777
POLR2B	24.2839	31.5393	0.377154	0.243349
LOC96610	2.53782	3.47279	0.452504	0.338418
MRPL2	46.24	40.9521	-0.175204	0.76146
RHOA	280.105	270.347	-0.0511533	0.956177
UBL5	544.698	620.967	0.189058	0.710182
KDM6B	6.70039	9.77475	0.544814	0.064033
MRPS30	43.0976	30.7586	-0.486619	0.096962
MAPK6	8.32313	6.34463	-0.39159	0.250244
TTBK2	0.384956	0.188605	-1.02933	0.0600393
TMEM136	5.25482	3.20979	-0.711163	0.0181648
ZNF485	3.64348	3.07679	-0.243892	0.708142
CLP1	12.0572	14.8563	0.301181	0.466843
SEP15	56.2653	48.8697	-0.203306	0.66979
C8orf48	2.27908	1.6291	-0.484377	0.452215
CNP	20.4739	25.5458	0.319299	0.629465
ITGB1	333.764	260.634	-0.356803	0.352463
RSRC1	3.67888	3.44106	-0.0964118	0.930021
UBN1	5.08417	6.16508	0.278107	0.513296
NDNL2	16.7928	21.4512	0.353216	0.337387
PYURF	65.2656	87.3468	0.420433	0.176195
TMEM161B	4.6676	3.07271	-0.603167	0.0864363
DLEU1	7.56212	11.9968	0.665787	0.37362
CLTC	23.8632	23.8301	-0.00200427	0.998593
KDELR2	56.5984	69.5212	0.296691	0.431333
TUSC1	10.4917	13.386	0.351479	0.377162
NR2C2AP	45.1827	58.5329	0.373477	0.547145
HOMER3	91.7947	62.5686	-0.552972	0.0451232
SMURF1	6.68055	6.59909	-0.0177017	0.986681
UTP23	7.88786	9.37764	0.249592	0.566136
DCAF16	9.5485	9.7131	0.0246571	0.981335
MRPL15	65.0581	70.6843	0.119659	0.860871
IRS1	0.442737	0.621821	0.490048	0.342599
UFM1	14.6738	14.7377	0.00627656	0.994734
CTSL2	2.04058	1.52103	-0.42393	0.330427
ZNF609	3.66134	3.60218	-0.0235001	0.981441
ERI3	56.1298	48.8601	-0.20011	0.695374
GZF1	2.5726	2.43849	-0.0772399	0.939306
RMDN1	14.0277	9.73322	-0.527293	0.0657182
NIN	3.65171	3.724	0.0282805	0.978818

ARFRP1	16.0989	25.0047	0.635237	0.191052
FKBP11	165.12	175.233	0.0857651	0.912368
CNBP	129.115	151.397	0.229674	0.628907
PSMC6	32.7244	38.508	0.234792	0.592657
KAT2B	1.44451	0.988736	-0.546921	0.197138
HYPK,SERF2	157.851	192.657	0.28747	0.732699
METTL1	8.74473	16.6827	0.931865	0.00153868
ARHGAP39	5.82217	9.90115	0.766038	0.00478151
EFHC1	1.31328	0.824083	-0.672312	0.0805827
ENO3	4.22381	1.72004	-1.2961	0.00153868
SULT1A1	10.9032	6.47635	-0.751493	0.0429833
LIMD2	7.68696	9.05237	0.235883	0.777535
KIAA1731	0.833205	0.582213	-0.517125	0.262704
POLR3GL	29.9006	15.7723	-0.922783	0.00153868
DIS3	6.87964	6.89363	0.00293063	0.998382
SMARCA5	9.17571	10.1113	0.140076	0.818403
MAP1S	22.0151	21.4242	-0.0392555	0.969848
C22orf28	54.2577	49.1463	-0.142744	0.806275
DNAJC12	33.8603	21.3143	-0.667771	0.0169799
UFC1	102.191	123.054	0.268023	0.500983
LINC00239	0.194029	0.0211657	-3.19647	1
RARS2	16.8793	14.8382	-0.185942	0.736949
SYNGR3	8.75573	5.20204	-0.751149	0.0324264
AGFG1	4.8209	5.29	0.133967	0.863898
ZNF814	1.39655	1.87171	0.422492	0.314509
TRA2A	34.9377	37.2314	0.0917363	0.902718
SIK2	1.73047	1.18814	-0.54246	0.644644
ETS2	7.12197	8.00064	0.16784	0.778258
METRN	145.644	183.022	0.329568	0.367548
SGTB	2.61534	2.13274	-0.294288	0.704729
MTA1	46.4647	32.7233	-0.505816	0.0663805
SYNCRIP	15.0787	25.8933	0.780063	0.00478151
TPD52L1	25.41	15.8788	-0.678294	0.0130226
ATP8B1	0.0181427	0.00969388	-0.904241	1
OBSL1	14.1745	11.6506	-0.282888	0.535369
MRPL45P2	2.47525	1.82971	-0.435961	0.500591
ZNF678	0.483581	0.370977	-0.382429	0.517807
ZNRF2P1	0.827357	0.679923	-0.283138	0.853245
VIPR1	0.926679	0.28561	-1.69802	0.00659556
LOC728554	28.5067	26.5953	-0.100126	0.888541
LZTR1	13.0919	15.6576	0.258191	0.541095
SERPINH1	103.443	238.065	1.20253	0.00153868
UBXN7	1.92812	1.29288	-0.576602	0.130936
MZT2B	432.63	466.766	0.109566	0.913887
PLVAP	0.022524	0.0413839	0.877606	1
LYRM7	1.49694	1.725	0.204581	0.737328
KCNAB1	1.21172	1.86932	0.625463	0.107565
NPM1	1622.12	1560.91	-0.0554939	0.955413
NOL9	7.37655	9.80335	0.410328	0.186334

IPO4	39.4832	61.179	0.631799	0.0150346
NSF	6.71246	8.56003	0.350775	0.318122
ZKSCAN2	1.19253	0.928133	-0.361624	0.465679
CETN3	21.1911	13.8809	-0.610356	0.0403493
FAM3A	16.2367	12.1867	-0.413949	0.225511
RPGR	1.54417	1.12665	-0.454795	0.378746
INTS9	11.0864	13.3254	0.265384	0.543617
PIP5K1A	26.4755	23.8758	-0.149112	0.800869
KPNA6	8.5817	11.5026	0.422621	0.171199
CCNY	25.8976	24.1525	-0.100641	0.883608
LIMK2	8.94487	8.85191	-0.015071	0.990491
UTP3	24.324	36.0367	0.567083	0.0351856
WASL	9.98039	7.98525	-0.321759	0.381086
SYTL1	16.9497	6.91454	-1.29355	0.00153868
DTD1	67.9978	53.6316	-0.342404	0.319634
KATNA1	12.2507	9.57941	-0.354857	0.358175
RTN2	14.9934	15.2672	0.0261068	0.981808
LYRM2	4.27686	4.50634	0.0754027	0.93293
MUT	5.97039	3.98441	-0.583461	0.0519269
SMARCB1	85.4412	82.3142	-0.0537905	0.952184
GLIPR1	15.2487	17.0168	0.158274	0.879418
PTCH1	1.69884	1.52794	-0.152966	0.843845
TXLNA	22.8222	27.7226	0.280629	0.471249
LOC202181	0.587465	0.726456	0.306373	0.751304
DEK	46.6981	42.6377	-0.131231	0.838902
GTPBP8	8.32321	8.33025	0.00122042	0.999234
TSPAN3	52.4586	41.7286	-0.330143	0.347779
EFHD2	53.1255	88.7006	0.739539	0.00659556
SRR	0.718942	0.597594	-0.266709	0.940847
NDST2	6.3091	5.71534	-0.142596	0.844936
FIG4	5.05463	2.81627	-0.843816	0.00274688
SLC5A2	0.13887	0.0997157	-0.477845	1
CDK5	36.0812	37.1579	0.0424224	0.964628
TRAF3IP1	2.42564	3.4698	0.51649	0.154667
MIER2	12.7371	16.2608	0.352358	0.352954
SPATA2L	16.1742	13.9166	-0.216893	0.86364
RAB2A	25.6551	24.5307	-0.0646589	0.940155
CREBL2	6.27318	4.22661	-0.569694	0.0723025
LOC652276	3.75761	3.00102	-0.324362	0.541428
MLLT6	17.0535	17.2264	0.0145543	0.990227
ISY1,ISY1-RAB43	20.8212	24.9478	0.260861	0.541081
ATG7	6.05111	4.32473	-0.484587	0.410554
CD40	16.5616	12.7661	-0.375531	0.31192
SPATS2L	8.67345	8.1483	-0.0901071	0.906934
RP2	1.40288	1.16763	-0.264806	0.713126
UBXN2A	4.92929	3.722	-0.405301	0.350594
NME6	14.7997	11.9838	-0.304476	0.536934
ARRDC1	95.3572	79.2147	-0.267573	0.525673
STRBP	9.43155	7.06572	-0.416659	0.182216

MRPL52	71.9825	104.725	0.540882	0.0537703
FAM83F	31.8039	33.9927	0.0960205	0.899965
CTSC	43.1174	56.0643	0.378813	0.373268
N4BP2	0.442536	0.296643	-0.577065	0.229368
DHX15	36.5225	49.2293	0.430733	0.14587
SCYL3	0.833335	0.628546	-0.406877	0.808777
TMBIM1	73.2307	61.7301	-0.246475	0.6172
GSTP1	1017.67	1195.08	0.231833	0.617798
HSF1	129.255	138.837	0.103178	0.916694
BRD2	35.3935	39.8805	0.172198	0.745547
KLC1	19.4481	18.6939	-0.057061	0.963259
SAP25	1.34517	1.5864	0.237968	0.900642
ZNF674-AS1	2.06471	2.82545	0.452539	0.36961
DYNLL2	24.0947	32.6046	0.436357	0.170772
TRA2B	29.4546	35.5844	0.27275	0.491013
MAP2K4	5.69835	6.93821	0.28402	0.500234
SNRPE	62.5791	78.8972	0.334292	0.337256
TXNRD2	22.2351	18.9148	-0.233327	0.87665
NT5DC2	100.538	116.881	0.21729	0.642337
LOC642852	0.88961	0.754141	-0.23834	0.759309
ZNF706	41.3673	45.7986	0.146813	0.799962
PJA1	7.76886	7.3665	-0.0767239	0.939451
TIRAP	1.95232	1.69325	-0.205395	0.870418
NDUFC1	194.645	207.837	0.0946132	0.938489
ENOSF1	14.277	15.4587	0.114728	0.890564
ZC3H18	8.28747	13.8195	0.737699	0.00659556
ULBP3	2.5184	3.51681	0.481762	0.531391
DAP3	89.8612	73.8789	-0.282535	0.480302
NPAT	1.31338	1.20491	-0.124364	0.886331
NFU1	38.2146	28.7093	-0.412605	0.220227
ZDHHC7	12.3635	14.5277	0.232712	0.619611
MCF2L-AS1	0.889577	0.537586	-0.726624	0.469269
KLF13	7.02688	6.13998	-0.194651	0.718302
SEC14L4	1.55	1.30129	-0.252334	0.784528
GRINA	361.041	345.804	-0.0622049	0.943024
LRCH4	11.3562	14.5808	0.360595	0.346301
ARAP1	14.6964	11.6485	-0.335315	0.361509
MOV10	27.2937	24.4052	-0.161375	0.774227
NFYB	5.45235	3.83896	-0.506165	0.121135
MAD1L1	10.3308	10.5848	0.0350488	0.975592
C14orf119	26.9873	28.8543	0.096504	0.948101
TRIM34,TRIM6,TF	0.23074	0.0390339	-2.56347	1
KRAS	4.95271	4.61005	-0.103437	0.890564
ZNF576	6.02558	10.3551	0.78117	0.0156935
JAG2	19.6947	27.6459	0.489256	0.0881203
ZNF345	0.468766	0.254253	-0.882605	0.478314
ZDHHC21	1.00088	0.890741	-0.168192	0.823349
FBXL15	12.5682	16.1436	0.361179	0.384397
SDAD1	9.81846	11.0278	0.167579	0.762355

ATP5F1	91.657	88.4778	-0.0509298	0.965831
PNKP	36.1883	33.3957	-0.115858	0.874851
RHBDL3	0.917827	1.7083	0.896264	0.0215444
CHEK1	11.0386	8.77286	-0.331434	0.405098
ABCB9	4.34659	4.75405	0.129273	0.881709
NAF1	8.32093	11.4816	0.464507	0.174815
HAGH	38.8517	29.7629	-0.384463	0.270424
LRP11	5.12771	3.24462	-0.660263	0.0487873
C12orf57	347.701	370.596	0.0919997	0.899607
NBPF1	0.866574	0.993211	0.196778	0.825017
TGFB1	111.484	123.986	0.153339	0.783706
SLC50A1	41.5891	23.2069	-0.841654	0.00153868
TMEM184B	16.8978	23.4227	0.471072	0.115142
SDHB	123.997	118.831	-0.0613953	0.943024
TDP2	14.9868	14.567	-0.0409888	0.967343
ACLY	35.1355	43.085	0.294258	0.443524
EPG5	1.47254	0.757833	-0.958358	0.00153868
STARD3	27.7269	25.3127	-0.131424	0.83652
CDCA8	31.4598	32.1027	0.0291829	0.977021
ZDHHC12	78.0249	64.2985	-0.27915	0.851662
VPS4A	62.6988	65.1544	0.055425	0.95121
ATP5A1	280.866	268.494	-0.0649884	0.940466
ATP7B	1.24416	1.25716	0.0149893	0.992312
RRN3P1	5.32923	4.2589	-0.323445	0.562746
UBQLN1	33.833	39.3843	0.219188	0.638761
SS18L2	20.5054	32.5007	0.664468	0.197138
HLA-C	722.812	720.998	-0.00362552	0.997552
CCL5	1.43729	1.54243	0.101854	0.952355
KIFC1	30.6343	28.5127	-0.103547	0.883537
FBXO31	14.0911	14.3818	0.0294578	0.97666
YES1	9.70789	9.93451	0.0332905	0.974108
NEMF	3.8764	3.96642	0.0331181	0.975492
FAHD1	16.0029	24.6826	0.625162	0.0253664
RBX1	67.3582	77.8642	0.209105	0.662837
AKAP1	13.0774	19.9266	0.607615	0.0156935
PYGO2	10.9045	11.2757	0.0482943	0.960067
CEBPA	24.4979	30.311	0.307183	0.437468
CUEDC1	6.20994	6.7188	0.113625	0.894373
PSMF1	34.6439	28.0307	-0.305591	0.400165
IER3IP1	40.5509	47.4213	0.225801	0.618375
HDGF	180.048	205.134	0.188181	0.720235
MTRR	5.32032	8.38959	0.657086	0.0176564
SEC13	73.324	96.5826	0.397479	0.222451
ZFYVE27	15.3043	22.099	0.530042	0.0705331
POLR2L	175.845	323.466	0.879304	0.00153868
APLP2	81.2921	79.6638	-0.0291902	0.978016
UBE2Q1	21.0162	28.4929	0.439099	0.152767
HNRNPA1	858.127	717.572	-0.258067	0.576342
RPP21,TRIM39,TI	163.819	157.522	-0.056546	0.966307

PRDX3	94.722	102.069	0.107775	0.878705
HDAC4	0.497263	0.499041	0.00514796	0.997773
OARD1	12.2426	7.07229	-0.791659	0.0103919
FZD2	5.82387	3.62374	-0.6845	0.0360613
UFSP1	4.09986	6.80891	0.731849	0.17528
CCDC73	4.12601	3.49008	-0.241487	0.929102
DBF4	6.29386	7.16718	0.18746	0.756733
TMPO	27.3582	35.294	0.367447	0.290194
HSPD1	435.132	544.569	0.323663	0.520313
CSNK1G1	2.02858	1.93446	-0.0685367	0.945416
NKAPP1	0.402014	0.315935	-0.347619	0.775623
RABIF	3.24795	4.65329	0.518721	0.150319
LIN52	1.1416	1.43116	0.326124	0.71187
CDK1	40.624	42.9291	0.0796251	0.925638
SPCS1	167.588	163.818	-0.0328264	0.983243
SMCR8	2.15973	2.33986	0.115571	0.945887
PHACTR2	1.96743	2.06552	0.0701933	0.938622
F12	35.6555	37.2948	0.0648503	0.943568
IGSF8	17.3524	18.3549	0.0810326	0.926279
SUPT20H	10.6594	8.44244	-0.33639	0.716243
PCNA	79.1532	123.911	0.646589	0.0192959
TSPAN13	5.00249	5.89415	0.236637	0.705202
MVK	13.9012	15.7096	0.176437	0.776083
SGMS1	2.60625	2.53927	-0.0375631	0.975475
FIBP	97.6854	90.9312	-0.103368	0.880754
DNAJC3	6.08373	7.44902	0.292095	0.463667
GPS1	80.3214	86.0052	0.0986391	0.890489
MYEOV2	227.865	336.959	0.564395	0.0370145
CTCF	11.8542	15.3106	0.36913	0.276847
C9orf69	45.1996	69.1905	0.614263	0.0169799
CYB5A	10.1705	9.82302	-0.050154	0.970185
REPS1	16.5885	11.9492	-0.473263	0.109539
CDC34	129.829	165.006	0.345902	0.308679
CORO1C	113.477	117.687	0.0525601	0.955281
LSM6	25.1936	35.8239	0.507863	0.125383
SLC12A8	4.709	4.9127	0.0610962	0.952747
FEM1A	15.5668	18.6695	0.262209	0.525673
RPP38	27.9474	33.7679	0.272937	0.522524
LMLN	0.61682	0.418296	-0.560326	0.264603
SOD1	363.117	418.668	0.205371	0.670124
CCDC91	4.57811	4.0022	-0.193961	0.757598
LINC00441	0.0810513	0.011831	-2.77627	1
IFIT3	0.324453	0.910069	1.48796	0.00659556
PPP4R1L	0.17017	0.102257	-0.734775	1
CHTF18	15.2519	18.3159	0.264105	0.564123
NDUF4F4	10.8935	19.6442	0.850635	0.00153868
LINC00852	0.900856	1.12075	0.315096	0.96692
ADPGK	18.5613	23.5391	0.342762	0.346023
GPR137B	11.177	7.67829	-0.54167	0.096962

C15orf57	21.9043	19.6252	-0.158507	0.785473
STARD3NL	22.594	21.3604	-0.0809973	0.922274
USP20	12.7611	10.6851	-0.256149	0.554994
GTF2A2	27.2159	37.0043	0.443241	0.150143
COPA	21.784	11.2847	-0.948903	0.00153868
CENPBD1	1.55737	1.55534	-0.00188755	0.999234
OAS1	0.0265892	0	#NAME?	1
ABLIM1	9.5583	6.93291	-0.463293	0.117715
C4orf27	16.0239	16.4632	0.0390201	0.971241
CSNK2A3	0.261074	0.12958	-1.01061	1
AXIN1	31.3264	30.187	-0.0534506	0.952139
IL32	401.438	563.159	0.488365	0.0913904
CPEB4	0.663565	0.473958	-0.485478	0.349063
PAX8	1.28947	0.677864	-0.927715	0.332823
LOC100507032	1.84795	1.2074	-0.614016	0.121447
CCDC53	21.5113	10.4979	-1.03499	0.00153868
RBM15B	13.1631	13.6697	0.0544796	0.957719
ARTN	0.208111	0.0563362	-1.88522	1
MUM1	9.32542	16.4535	0.819151	0.00153868
TRMT13	2.2836	2.91795	0.353643	0.484602
FAM222B	5.16568	5.02879	-0.0387469	0.971674
DIABLO	44.1738	43.2958	-0.0289661	0.97713
TAF10	138.106	144.658	0.066871	0.970863
GPC1	33.3818	45.9905	0.462273	0.106278
NEK1	1.06164	0.566284	-0.906699	0.0117316
C6orf136	25.0133	23.9761	-0.0610992	0.97394
PLA2G16	69.9258	55.3998	-0.335945	0.347897
AARSD1,PTGES3	34.2986	29.9558	-0.19531	0.703707
PSMG2	82.4052	57.9162	-0.508768	0.077894
HMGB3	12.8338	15.9412	0.312815	0.397992
GFOD2	15.8635	25.4567	0.682333	0.0304296
B4GALT3	31.758	39.3597	0.309599	0.41335
TIGD2	3.54685	2.89745	-0.291752	0.618375
EXO1	5.08752	5.80082	0.189294	0.74504
PSMA4	110.155	141.459	0.360843	0.295637
NADK	45.1474	65.1054	0.528135	0.0529824
EFCAB6	0.0569151	0.0353817	-0.68581	1
TSPAN14	4.45589	5.0465	0.179567	0.755459
OXLD1	50.535	33.5515	-0.590906	0.0919662
LRRC47	34.0608	40.0912	0.235176	0.593222
C11orf83	17.0864	19.8064	0.213114	0.907121
OXNAD1	1.86846	2.11415	0.178227	0.821796
NDUFA8	143.714	146.016	0.022925	0.981543
TANK	8.44319	6.91974	-0.287071	0.700356
MTO1	5.82819	5.65026	-0.0447322	0.967343
TMEM147	216.64	282.952	0.385263	0.267544
ZFYVE9	2.84926	2.59877	-0.132759	0.860285
ERI2	3.81822	3.12614	-0.288518	0.720534
DHX30	35.4046	43.1777	0.28635	0.463667

AARS2	6.83641	6.63474	-0.0431984	0.965174
ACOT2	9.81586	6.66393	-0.558742	0.14573
TEX14	0.0346863	0.0289572	-0.260444	1
CAPZA1	80.5243	78.9457	-0.0285642	0.977021
GOLGA7B	0.117995	0.0743795	-0.665752	1
KLHDC4	19.0658	21.7291	0.188638	0.738263
DCTN2	65.9923	47.4723	-0.475211	0.178948
THAP4	89.7832	106.689	0.248898	0.633281
DEPDC1	5.56074	5.25521	-0.0815292	0.923571
PISD	22.3484	32.6058	0.544954	0.133822
KIF11	8.04161	7.54561	-0.0918468	0.902735
FAAH	9.78398	7.83727	-0.320071	0.503119
RAB18	11.2732	12.2321	0.11777	0.860894
TAPBP,ZBTB22	31.3575	31.4825	0.00573795	0.995209
FLJ14186	1.77646	1.30667	-0.443106	0.435859
PTCHD3P1	5.55916	7.59896	0.450935	0.241705
GSPT1	22.1151	29.0658	0.394291	0.218807
LOC100507463	1.03021	0.938852	-0.133966	0.981441
AGPAT3	8.07879	10.846	0.42495	0.166637
REEP1	0.602322	0.713406	0.24419	0.800138
LIG1	17.1083	19.5279	0.190836	0.726274
RHOT2	43.3766	64.9179	0.581699	0.0334318
RNPEP	36.6161	32.8	-0.158781	0.777535
COMMD5	64.5006	100.497	0.639765	0.0137404
GOT2	88.4524	96.233	0.12163	0.857679
RNF41	11.4294	7.75742	-0.559102	0.0451232
ABCA3	14.5537	13.3042	-0.129501	0.840956
CDK3,TEN1	38.0052	45.8407	0.270433	0.765908
PROSER2	4.09979	3.51437	-0.222285	0.733086
DNAJC5	14.3294	16.9521	0.242482	0.572991
SASS6	1.50299	1.58361	0.0753792	0.948523
CDK13	1.81957	1.91168	0.0712446	0.945887
NUDT22	56.7973	41.5525	-0.450889	0.177937
RAB21	12.7486	12.8189	0.00793239	0.994593
BCCIP	60.8837	109.231	0.843255	0.00478151
GRK6	29.1006	29.8317	0.0357996	0.97562
LOC100506321	0.124733	0.0987992	-0.336268	1
MTIF2	16.8515	12.0162	-0.487896	0.0907094
RNH1	110.159	104.443	-0.0768721	0.927195
TSTA3	200.112	234.578	0.229256	0.6214
CSPP1	2.29914	2.90354	0.336717	0.438502
ADPRHL1	3.73622	2.22168	-0.749926	0.0952042
FAM50A	90.2864	74.1806	-0.283466	0.465794
CCND1	27.78	34.2322	0.301305	0.4141
HSPA12A	1.5933	1.79225	0.169755	0.824372
LOC100507424	0.736796	0.41769	-0.818833	0.933398
TRIP10	42.418	44.4882	0.0687462	0.937188
CRHR1-IT1	3.85652	3.26845	-0.238696	0.907121
BTBD10	9.87713	9.41277	-0.0694723	0.939306

TONSL	24.7567	39.2381	0.664433	0.00820276
LOC100507118	5.98065	6.18465	0.0483885	0.986253
PI4KB	19.9032	22.8657	0.200186	0.761723
TMEM170A	5.09572	3.70915	-0.458195	0.406256
GMNN	19.9496	30.8648	0.629603	0.0204286
ARL2,SNX15	191.774	158.477	-0.27513	0.506923
BMS1P4	0.439045	0.30088	-0.545183	0.598605
ANGEL2	5.41138	5.97789	0.143641	0.820603
TEX264	99.124	83.8114	-0.242087	0.58959
SSR1	9.7344	10.2552	0.0751851	0.926883
TACC2	8.49194	9.38833	0.144775	0.824372
MKS1	10.169	4.68711	-1.1174	0.00153868
CSNK2A2	52.0786	22.6323	-1.20231	0.00153868
BCL7C	110.437	129.577	0.230582	0.611583
PWP2	22.8052	34.2971	0.588726	0.0280907
AURKA	25.0125	29.8154	0.253405	0.569671
RGS19	25.0715	27.7234	0.145052	0.832978
PKNOX1	2.05113	2.50956	0.291014	0.584119
HIRIP3	9.58397	9.25047	-0.0510954	0.963608
PPIL6	0.491204	0.177878	-1.46544	0.638761
BAIAP2	18.847	15.7482	-0.259142	0.572911
YTHDF2	32.7842	36.6073	0.159132	0.783938
CUEDC2	94.4586	81.5244	-0.21245	0.662083
CTSZ	86.1456	86.807	0.0110354	0.992563
TTYH2	9.86772	12.9959	0.397265	0.248957
SELRC1	5.06527	7.84933	0.631931	0.0484091
ISG15	119.863	156.253	0.382495	0.254699
CBLB	0.519016	0.375496	-0.466983	0.554884
PQBP1	81.8564	82.6528	0.0139698	0.994116
ZNF641	2.1044	1.56925	-0.423333	0.324863
TROAP	41.8274	50.5117	0.27217	0.653218
FAM71E1	4.05096	2.9098	-0.477345	0.939068
PIGF	21.8531	18.9553	-0.205237	0.89536
RNF219	3.71848	3.78016	0.0237332	0.983039
CIDECP	5.58575	4.83358	-0.208658	0.842506
VKORC1	384.919	270.621	-0.50828	0.0729664
PLCL2	1.26637	1.24962	-0.019209	0.994507
NUP85	22.4562	26.5679	0.242575	0.584417
IPO11,LRRC70	11.3624	12.8483	0.177305	0.768364
MSH2	8.49383	9.09467	0.098606	0.89785
KIAA0232	2.05235	1.73277	-0.2442	0.633194
DCBLD2	2.96269	3.74142	0.336678	0.395266
MYO5A	2.45089	2.29208	-0.0966455	0.900608
ENY2	37.4007	50.4624	0.432144	0.15255
SYF2	40.3065	23.6637	-0.768334	0.00153868
C16orf72	7.53125	6.53246	-0.205264	0.698621
ZCCHC14	2.67337	2.16867	-0.301851	0.518305
UTP18	39.7469	47.9768	0.271495	0.49522
TAPT1	2.25471	1.7312	-0.381176	0.396134

DDX20	6.53109	6.42563	-0.0234867	0.982866
IRF2	4.86589	6.14534	0.33679	0.472023
RPRD2	3.40979	2.59557	-0.39363	0.266662
MAPKAPK2	33.8356	38.9497	0.203073	0.676146
CYB5R1	27.2556	18.2866	-0.575766	0.0429833
FAM86C2P	1.03825	0.884206	-0.231701	0.861774
RGS9BP	0.188588	0.193902	0.04009	1
USP50	0.856843	0.619201	-0.468623	0.924162
CENPA	18.8646	16.2879	-0.211885	0.698498
ARHGAP21	4.91268	4.87476	-0.0111776	0.992304
OGG1	14.2114	13.4133	-0.0833869	0.961132
ASB1	32.3121	22.9344	-0.494564	0.0832671
TRPM7	2.58718	2.20852	-0.228301	0.654907
SDHA	57.8121	52.1117	-0.149765	0.799656
PWP1	34.6831	34.1508	-0.0223133	0.981441
FASTK	48.5423	51.228	0.0776895	0.928407
DGCR14	4.91093	5.22926	0.0906097	0.91609
DUSP11	18.9654	16.7838	-0.176298	0.758847
PTPN11	11.2574	14.5115	0.366316	0.267401
N4BP1	2.83417	3.06269	0.111874	0.886228
TC2N	0.00310263	0	#NAME?	1
RTFDC1	49.4349	48.6049	-0.0244275	0.979338
ADCY6	6.77501	7.74473	0.192991	0.720731
CNTRL	1.79002	0.742552	-1.26941	0.00153868
ERLEC1	11.9808	10.383	-0.206498	0.777568
WBSCR16	37.1292	48.1157	0.373953	0.258195
VPS54	3.14714	3.12978	-0.0079763	0.994734
LRP6	1.07694	0.985658	-0.127783	0.879865
CBX3	88.2005	105.294	0.25556	0.542801
FAM108C1	9.24308	13.5713	0.554117	0.0871059
MCAT	19.692	29.2606	0.571352	0.0519269
THADA	2.09043	2.64029	0.336894	0.439733
TEX19	0.513304	0.358865	-0.516373	0.637072
GJA9,MYCBP	9.93563	15.4304	0.635091	0.0192959
HEATR2	21.9503	21.9745	0.00158681	0.999215
PCDHB3	0.163623	0.0718666	-1.18699	1
WRN	1.77566	1.76646	-0.00749455	0.994734
CPSF6	10.1732	11.643	0.194697	0.699755
CCNB1	55.4039	82.4814	0.574082	0.0407657
ATP6AP1	68.4415	58.641	-0.222962	0.630091
HIVEP2	2.41494	1.38673	-0.800302	0.00380811
NSD1	1.95309	2.18888	0.164434	0.784918
CIRBP	119.154	57.9183	-1.04074	0.00153868
SHROOM1	9.60968	8.15042	-0.237615	0.65548
CERS5	21.8284	17.029	-0.358214	0.320971
C7orf73	13.7207	12.7213	-0.109106	0.882085
STYXL1	17.9171	9.11822	-0.974516	0.00153868
LSM5	22.3454	24.9708	0.160264	0.775951
KDSR	22.6659	13.5886	-0.738125	0.00572929

ITFG3	24.8693	15.9983	-0.636442	0.0187307
PEX7	7.98026	5.0657	-0.655672	0.0660778
HMOX1	88.3952	72.3772	-0.288433	0.462386
PHKG1	27.5378	17.5709	-0.64823	0.324946
SOCS4	2.92505	3.18426	0.122495	0.869722
EPB41L4A-AS1	85.9805	54.1967	-0.665804	0.0117316
SLC35A1	6.92041	6.3769	-0.118004	0.887299
COQ10B	20.7074	16.9246	-0.291021	0.463667
RPH3AL	3.36282	2.34866	-0.517837	0.301701
OXTR	0.104231	0.214031	1.03804	1
CCDC57	4.65002	4.83827	0.057255	0.960529
TTC39B	0.363164	0.192324	-0.917081	1
TMEM67	1.50966	0.980566	-0.622539	0.107265
GAS8	4.874	4.06202	-0.26291	0.684169
GF11	2.05444	2.0902	0.0248983	0.986782
TLE1	6.77904	5.03435	-0.429276	0.251081
FAM161A	1.02648	1.11592	0.120525	0.915693
RCAN3	3.16424	1.30414	-1.27876	0.00153868
IKBKB	12.2559	11.3642	-0.10899	0.879418
RRM1	29.0575	23.0803	-0.332251	0.34787
UTP15	4.25731	7.0608	0.72989	0.00970147
MRPL18	69.7742	118.642	0.76585	0.00153868
NXT1	37.55	57.9752	0.626622	0.0215444
TBC1D13	19.6996	24.0632	0.288661	0.450348
CDC42SE1	35.436	44.1116	0.315944	0.396799
ARL16	25.3734	29.6339	0.223932	0.664979
MLKL	8.55765	13.6575	0.674412	0.0232503
DECR2	20.4446	18.1429	-0.172315	0.799656
NT5C3	17.1353	16.1153	-0.0885374	0.913595
ARID1B	2.89715	2.14655	-0.432617	0.21812
SRSF7	51.773	76.6607	0.566286	0.030086
HTR7P1	0.995037	0.918673	-0.1152	0.929461
SPATA5	0.694217	0.887773	0.354803	0.490657
ACRV1	0.0860543	0.198472	1.20561	1
GCSH	14.6187	18.3506	0.328011	0.39786
RMND5B	21.109	18.3623	-0.201111	0.706753
LIN54	1.96607	1.2749	-0.624936	0.0782684
FKBP9L	0.528346	0.216961	-1.28404	0.0525851
CYB5R4	3.97037	3.65581	-0.119082	0.893287
RBBP7	42.7614	45.1581	0.078676	0.923624
UCK2	25.7043	35.1339	0.450851	0.117359
CCT7	349.931	415.601	0.248125	0.589092
FZD8	2.22597	2.11283	-0.0752553	0.96066
DAK	10.0234	7.67671	-0.384814	0.885196
BCAR1	27.0009	35.7783	0.406076	0.203984
TOR3A	16.7088	36.882	1.14231	0.00153868
PITPNA	18.8917	24.0065	0.345671	0.32908
TTC1	45.5775	31.1971	-0.546912	0.0467998
RTCA	17.2741	14.5895	-0.243674	0.589163

C6orf165	0.0532082	0.0512519	-0.0540426	1
RPA1	15.0094	16.1226	0.103217	0.884758
SBDSP1	16.4711	25.5738	0.634734	0.0198871
RABL6	144.076	157.785	0.131125	0.848653
TALDO1	155.032	158.078	0.0280716	0.978016
LOC100129931	10.8914	16.4317	0.593302	0.0871059
FNDC8	1.09671	1.3124	0.259028	0.838902
FKBP9	10.1896	4.95041	-1.04148	0.00153868
ATG16L2	23.9791	15.9664	-0.586735	0.0523053
LARGE	3.8881	4.09507	0.0748199	0.939451
CDR2L	16.1055	20.3455	0.337155	0.357833
YIPF5	7.92877	7.02093	-0.175436	0.764196
IWS1	12.3427	14.2477	0.207071	0.666451
ACTR10	14.3707	10.846	-0.405969	0.22492
BRD4	9.15672	8.76352	-0.0633212	0.944479
ANP32E	17.2895	21.2013	0.294256	0.453921
PPAPDC2	4.55422	3.83755	-0.247017	0.698989
SPRYD7	5.5814	5.24033	-0.0909699	0.913072
MTPAP	8.44758	9.56309	0.178939	0.733299
ADRBK1	38.3998	40.973	0.0935729	0.895397
TFIP11	12.6773	14.4875	0.192557	0.799195
GNS	9.39725	6.69982	-0.488115	0.0976116
PRKACA	24.3014	23.6467	-0.0393948	0.968722
MOGS	44.0979	61.5591	0.481262	0.096962
COX15	10.026	6.0279	-0.73402	0.0500215
IP6K1	8.91629	13.0571	0.550319	0.055778
MDN1	0.776329	1.02316	0.398297	0.287782
ST8SIA4	0.00249076	0.00280401	0.170905	1
ZNF343	3.05662	3.77726	0.305405	0.516033
LEPRE1	17.4869	17.6301	0.0117705	0.992304
PCOLCE-AS1	0.0496389	0.0129883	-1.93425	1
RNF19B	12.0211	8.42858	-0.51221	0.101539
DNAJC25,DNAJC	101.663	106.756	0.0705163	0.934932
TUBG1	41.4388	72.3439	0.803891	0.109797
ATP11C	2.19466	2.07693	-0.0795497	0.93305
ATP5E,SLMO2	703.331	812.867	0.208816	0.76146
ZCCHC8	4.71436	3.79599	-0.312584	0.478417
NCK2	17.7945	18.8762	0.0851378	0.919107
SAMD4A	3.11702	2.61384	-0.253997	0.623996
DDX18	15.6922	21.7591	0.471575	0.108649
BCAS4	28.5959	22.2935	-0.359184	0.363109
SLC39A13	34.9112	46.1252	0.401867	0.207927
EMD	129.396	106.318	-0.283401	0.459675
PODXL2	51.0455	50.0985	-0.0270151	0.977897
RAB27A	1.96951	2.67506	0.441733	0.290633
ZFHX2	0.194256	0.150928	-0.364094	1
RAP1B	86.7149	75.7852	-0.194364	0.698621
ARL5B	2.61013	1.2567	-1.05448	0.00153868
PIGP	40.8958	18.9186	-1.11215	0.00153868

CCDC14	5.19963	4.27506	-0.282464	0.522918
SPOP	12.7297	15.3471	0.269764	0.514757
C18orf56	5.51689	3.71288	-0.571317	0.960032
ADAR	21.7969	25.1005	0.203595	0.667947
F8A1	7.21203	6.9544	-0.0524808	0.97803
BAP1	25.2276	29.7247	0.236658	0.594489
RAB3GAP2	3.35243	2.03759	-0.718342	0.00659556
KEAP1	40.8824	57.3088	0.487276	0.089127
ABCD4	15.7887	11.5555	-0.450316	0.153369
HOXA-AS4	0.847439	1.11997	0.402283	0.968154
FAM89A	23.7821	33.0571	0.475085	0.116553
CATSPERG	0.195092	0.0867128	-1.16984	1
UTP14A	11.9816	15.0891	0.332686	0.369226
ZNF33B	2.4943	1.84556	-0.434576	0.217777
ZNHIT6	5.97931	6.8435	0.194756	0.698546
KLHDC1	0.127946	0.0270596	-2.24132	1
ACSL1	8.77122	11.4518	0.38473	0.243499
OSBPL2	8.87688	10.0057	0.172694	0.762218
NPLOC4	21.8569	33.9237	0.634206	0.0130226
GABARAPL1	7.83391	3.41618	-1.19735	0.00153868
CUL3	6.56737	8.89679	0.437969	0.151333
DMKN	88.1022	90.6047	0.0404071	0.970531
SPPL3	13.8744	12.8156	-0.11453	0.873477
HDDC3	18.6034	11.4688	-0.697845	0.606595
CANX	83.7548	78.5611	-0.092356	0.902834
URB2	2.77367	4.84693	0.805272	0.00659556
CLUAP1	3.53346	2.92667	-0.271821	0.61138
EXOSC2	34.3739	47.382	0.463023	0.111049
DCAKD	17.0465	15.9348	-0.0972933	0.902819
UBE2D4	3.61995	4.55065	0.330103	0.518485
RFXAP	2.61207	2.54413	-0.0380226	0.9771
PRRC2C	4.86486	5.84354	0.264444	0.512222
PIGN	3.17977	1.94745	-0.707338	0.0220668
WDR83OS	197.168	227.91	0.20904	0.752083
IREB2	4.4349	4.82374	0.121251	0.862703
IQGAP1	9.65115	6.56358	-0.556216	0.0434002
GTF2A1	3.16975	2.53916	-0.320017	0.439075
LRCH3	1.88093	1.13792	-0.725043	0.136049
PPM1B	8.22901	7.16329	-0.200097	0.767641
ZDHHC3	3.08271	4.37439	0.504883	0.0719976
GCDH	28.607	31.0979	0.12045	0.864901
RPS6KA5	0.355442	0.24316	-0.547706	1
LOC100289495	0.274114	0.0808623	-1.76124	1
USP42	2.47419	3.16454	0.355036	0.421289
C1RL-AS1	0.310256	0.144914	-1.09826	1
TRMT44	4.59932	5.43014	0.239568	0.680356
AEN	29.2883	34.6531	0.24266	0.574243
UBIAD1	10.268	13.788	0.425255	0.193396
CKS2	454.723	624.222	0.457072	0.121719

PCDHB2	2.65613	2.12232	-0.323683	0.634641
NMB	37.6165	49.8264	0.405547	0.274398
FARSB	29.3337	28.4703	-0.0431052	0.964476
SHQ1	5.20431	9.3591	0.846663	0.00153868
CTTNBP2NL	4.93158	4.12653	-0.257121	0.571
CNOT6	5.30519	5.8356	0.137474	0.825824
SHFM1	419.276	487.573	0.217717	0.643266
PPIA	673.278	745.724	0.147439	0.816563
ITGA5	25.744	22.0891	-0.220902	0.627109
TBX1	1.8681	0.842826	-1.14826	0.0767959
CTNBL1	24.8751	31.0302	0.318968	0.381226
LOC389791	0.432611	0.640951	0.567144	0.555701
TMEM218	2.64764	1.89802	-0.480209	0.229488
STEAP2	2.51923	2.2207	-0.181969	0.847391
ISPD	0.105753	0.143916	0.44453	1
TRIB1	23.1038	26.2894	0.186352	0.713729
ADCY9	1.54022	2.11173	0.455294	0.263932
NDUFA7	179.653	147.266	-0.286788	0.480434
MGST1	151.877	168.512	0.149951	0.804051
AAGAB	12.4448	16.4387	0.401549	0.323292
CHD3	14.3555	13.9115	-0.0453298	0.963969
SAR1A	26.7244	36.1373	0.435335	0.145921
GNB2	445.443	476.389	0.0969004	0.896052
VPS25	89.7891	69.5643	-0.368193	0.277238
PGM3	4.85453	4.75248	-0.030651	0.979689
C1orf85	33.9571	23.7185	-0.517702	0.0997561
RUVBL2	243.878	261.538	0.100865	0.891495
TAF5L	7.02484	8.95834	0.350766	0.371136
MSS51	0.625932	0.46584	-0.42617	0.663419
IFIH1	0.500274	0.201025	-1.31534	0.0318822
LOC389634	1.3805	1.31998	-0.0646727	0.981441
C11orf80,RCE1	26.1164	35.9273	0.460126	0.2463
CST3	233.263	248.691	0.092393	0.900642
RPF1	21.3892	24.1365	0.174334	0.909496
DUSP12	25.7387	28.2426	0.133932	0.839812
HPS5	2.00215	2.41056	0.267823	0.618122
B3GNT2	4.11959	4.8102	0.223595	0.707165
C1orf170	0.982251	0.740281	-0.40802	0.63182
LOC728613	0.640474	0.673935	0.0734692	0.967343
POLD1	30.659	35.8785	0.226806	0.633194
ZNF585B	0.912721	0.972942	0.092179	0.936229
MORN2	10.3427	10.7825	0.0600787	0.959927
MMP25	2.729	2.21413	-0.301632	0.671942
ALDH4A1	15.4873	14.9475	-0.0511836	0.958143
SMC4	6.76399	7.22819	0.095761	0.901786
PNPO	15.1971	13.5211	-0.168582	0.759934
ECD	11.6976	9.21924	-0.343497	0.375994
PXMP2	13.8259	16.1725	0.22617	0.727043
RNF167	87.3974	67.739	-0.367604	0.259867

KREMEN2	20.6709	34.7424	0.7491	0.0103919
MMP14	19.0218	16.3289	-0.220231	0.642777
DMPK	13.4275	9.66733	-0.474003	0.210405
LINC00493	139.017	119.54	-0.217776	0.643266
POFUT1	7.44706	7.21879	-0.0449143	0.962057
NME7	9.49731	6.89866	-0.461203	0.434222
RBBP5	3.35494	3.6747	0.131342	0.861337
NR4A3	0.26779	0.327649	0.291048	1
TBL3	32.9291	40.644	0.303678	0.420653
PGS1	10.7996	13.4086	0.312182	0.496238
RAPGEF1	18.0056	19.081	0.0836873	0.911013
TPRN	48.5436	46.3459	-0.0668384	0.938335
C9orf163	0.297223	0.897391	1.59419	0.849273
GAL3ST4	0.417665	0.296602	-0.493817	0.713975
FAM103A1	19.7136	21.4871	0.124283	0.882958
PPAPDC1B	37.1292	34.7076	-0.0973026	0.923571
FTSJ3	15.8828	26.3174	0.728555	0.190723
TRAPPC6B	3.75541	3.38093	-0.151551	0.837945
USP7	16.7535	21.359	0.35038	0.308846
ANKRD54	14.2848	23.6981	0.730293	0.00659556
C14orf166	201.774	183.503	-0.136933	0.824372
TRAPPC13	5.81699	4.88177	-0.252869	0.774227
ARFGEF2	1.83143	1.81674	-0.0116156	0.992882
PLEKHM1	12.2688	6.12017	-1.00335	0.00153868
ATF3	15.1298	4.70351	-1.68558	0.00153868
FAM78A	3.96252	4.98371	0.330802	0.472023
FAM96A	54.1285	58.159	0.103614	0.883608
C9orf78	66.4924	104.008	0.645429	0.0130226
TVP23B	10.6502	10.2328	-0.0576712	0.952184
METAP2	30.1466	30.0901	-0.00270725	0.998272
FAM90A25P	1.10794	0.390133	-1.50584	0.0280907
ANKRD40	10.762	12.1291	0.172534	0.756518
NIPA1	6.03848	6.7307	0.156571	0.785473
TRPS1	0.524723	0.331524	-0.662444	0.129711
LCMT1	39.0085	28.8049	-0.437471	0.159847
ZNF259	39.7664	42.4885	0.0955191	0.895596
ERCC6L	2.04852	2.68771	0.391794	0.629512
CRAMP1L	2.07873	2.31814	0.157261	0.832978
PSMB4	541.713	567.441	0.0669415	0.935766
IKBKE	2.79594	2.10123	-0.412099	0.394599
MRE11A	2.12593	1.15598	-0.878976	0.0103919
RIC8A	72.6584	89.027	0.293114	0.483696
MGAT4B	104.679	100.586	-0.0575408	0.978031
GLIS3	0.168365	0.0367688	-2.19504	1
RIOK2	7.24303	6.82512	-0.0857398	0.919578
FSCN2	0.10362	0.111357	0.10389	1
ZNF177,ZNF559,2	2.51873	2.10555	-0.258499	0.697386
CDC42EP4	8.33521	8.14716	-0.0329207	0.97562
NTN1	3.0036	4.00054	0.413499	0.318122

ESPL1	5.00853	4.81944	-0.0555202	0.954264
MRPS25	13.2014	14.7236	0.157432	0.867291
CARS2	59.9678	48.9436	-0.293068	0.439356
SDF2	20.6007	17.8531	-0.20652	0.692701
TTPA	0.348922	0.33363	-0.0646538	1
WDR12	16.4862	14.8507	-0.150721	0.8041
AP5Z1	11.3883	11.6782	0.0362653	0.971528
TUBB2A	14.1419	30.1728	1.09327	0.00153868
TMEM53	2.02046	1.69124	-0.256603	0.808777
ERAP2	3.25296	2.89452	-0.16843	0.789799
TARS2	27.9491	14.581	-0.938718	0.00153868
RPP30	5.91239	6.58988	0.156511	0.840133
ITPKB	2.32493	3.0836	0.407427	0.308679
LAMC2	0.136312	0.030816	-2.14516	1
CCDC124	233.237	259.348	0.153093	0.787439
ARRDC2	17.2424	19.5059	0.177951	0.757031
LRRC29	1.11096	0.412768	-1.4284	0.0784883
C10orf76	4.20665	3.76759	-0.159029	0.817355
VPS18	15.4576	21.4177	0.470483	0.107075
PCLO	0.0223955	0.00462107	-2.27691	1
SPTLC1	28.0921	26.5261	-0.0827534	0.933369
S100A16	911.644	1050.8	0.204951	0.689613
BRCC3	3.26882	3.40601	0.0593155	0.956357
DIAPH3	6.49196	4.13149	-0.651993	0.0204286
NDST1	4.91079	7.94956	0.69492	0.0103919
SUPT4H1	39.5912	40.7546	0.0417818	0.967296
CREB3	32.6672	37.5021	0.199129	0.879418
DDX10	10.2682	16.1776	0.655813	0.0130226
NPL	0.973738	0.912327	-0.0939824	0.952184
MLYCD	8.94436	7.14648	-0.323746	0.519255
C2orf68	3.9074	2.63636	-0.567663	0.638761
SMKR1	6.79192	5.30633	-0.356105	0.568275
MLLT1	27.367	36.515	0.416049	0.181817
RPN1	84.3895	93.3373	0.14539	0.804859
NCAPH	5.16777	5.1941	0.00733252	0.994734
DCUN1D4	5.56762	6.78228	0.284711	0.502059
RHNO1	8.10464	5.20883	-0.63779	0.667022
ZNF410	17.2297	17.5787	0.0289316	0.977897
IQGAP3	9.22038	3.949	-1.22334	0.00153868
SETD6	5.38718	7.29133	0.436652	0.827135
CAPRIN1	41.1822	34.1149	-0.271621	0.501244
QDPR	33.577	38.5119	0.197829	0.694097
CREB3L4	6.15403	2.36657	-1.37873	0.513296
TOMM40L	9.84533	16.1844	0.717096	0.00739414
DYRK3	14.7079	7.15356	-1.03986	0.00153868
CACTIN	14.054	19.7373	0.489943	0.119294
PPP1R10	12.2588	9.57577	-0.356353	0.308679
SDC1	25.8039	40.9623	0.66671	0.00739414
CEP170B	12.4134	17.6059	0.504153	0.0795709

SIN3A	4.53408	5.39986	0.252111	0.562668
TSPAN33	28.227	23.536	-0.26221	0.521655
CDV3	40.3704	52.3397	0.37461	0.258796
SUPT16H	31.3249	30.9136	-0.0190707	0.985492
LOC729737	0.277427	0.154182	-0.847476	1
PCDHB7	0.610576	0.351627	-0.796125	0.211701
SUPT7L	10.1197	9.62124	-0.0728787	0.96645
DCUN1D3	1.88352	2.68863	0.513439	0.614228
FAM185A	2.09147	2.37892	0.18579	0.838532
AIDA	23.9024	19.9659	-0.259618	0.521457
CSTF3	18.0376	22.4893	0.318228	0.784983
EIF2AK3	1.90732	1.53116	-0.316923	0.554334
SAR1B	3.30858	4.13675	0.322282	0.40991
TFE3	30.6524	27.6452	-0.14897	0.795726
RAB15	11.5717	11.7767	0.0253401	0.992304
INTS3	8.6916	6.70483	-0.374421	0.285596
SH2B3	13.5879	17.504	0.36536	0.267401
DROSHA	4.09201	4.23457	0.0494043	0.961132
MCOLN3	5.24184	4.05203	-0.37143	0.38574
PCF11	3.58606	2.91395	-0.299427	0.488273
MORC4	8.44601	8.12224	-0.0563931	0.950538
KIF2C	31.5138	23.9231	-0.397581	0.226046
ENTPD4	3.78791	3.44713	-0.136006	0.846945
PEX26	7.76048	7.71451	-0.00857068	0.994204
FAM86B3P	2.92966	1.35698	-1.11033	0.0393841
NUP98	7.93539	9.31784	0.231695	0.720087
PIK3C3	9.28195	6.02367	-0.623785	0.0253664
CCNF	8.93265	12.7097	0.508766	0.0871059
FOXO4	1.42877	1.0313	-0.470299	0.428214
MRPS34	173.51	248.222	0.516612	0.055778
TAF12	40.6842	33.8492	-0.265348	0.524638
TRAPPC3	68.0442	82.6949	0.281326	0.483124
APBA3	13.3626	12.6911	-0.0743791	0.940598
CBR4	5.35847	3.35438	-0.675776	0.0243026
RPA3	18.0655	14.5656	-0.310675	0.517103
WDR66	0.192084	0.181232	-0.0839028	1
ITPKA	33.5748	38.7116	0.205385	0.699437
POLR1A	5.63779	8.62375	0.613186	0.0232503
TCF19	7.85488	9.21457	0.230328	0.642563
PIEZO1	21.5437	32.7512	0.604282	0.0554201
VPS52	8.79739	6.29588	-0.482668	0.152252
C10orf95	1.78763	1.61083	-0.150247	0.975492
FLNB	9.69265	6.03304	-0.684007	0.00659556
KCTD15	12.7931	13.7911	0.108369	0.879418
NT5C	135.395	108.719	-0.31657	0.466918
MRPS26	148.974	254.472	0.772443	0.00274688
ZNF503-AS2	2.112	3.04393	0.527326	0.765267
IKZF4	1.22506	1.00509	-0.285528	0.678939
CHCHD3	79.0082	73.9306	-0.0958305	0.897319

UBAP2L	24.8131	36.9342	0.573855	0.361509
GNG5	311.727	309.025	-0.0125595	0.992304
SNAPC2	57.8833	52.6985	-0.135387	0.830217
PROX1	0.0403504	0.0354762	-0.185731	1
SNHG15	153.49	200.721	0.387046	0.218676
HERC2	2.86376	3.05577	0.0936265	0.902358
QSOX2	22.1364	25.6075	0.210146	0.645928
ANKHD1,ANKHD1	31.6256	25.5151	-0.309739	0.773159
DOC2B	0.920676	1.37199	0.575504	0.599775
CCDC142,MRPL5	109.673	112.742	0.0398163	0.975484
PTGFRN	7.50002	7.8945	0.0739519	0.931457
NRM	23.3497	15.9193	-0.552626	0.0851513
CENPB	46.646	67.9534	0.542793	0.0491395
SQSTM1	219.553	121.298	-0.856013	0.00970147
RARS	39.6565	46.1604	0.219097	0.632885
SART1	25.9538	26.68	0.0398134	0.967296
H2AFV	41.6808	40.1056	-0.055578	0.958829
ATP5G1	190.933	228.434	0.258708	0.538128
GSTCD	1.82908	1.66444	-0.136081	0.877848
RAD23A	130.559	95.1517	-0.456406	0.13182
ALG2	17.6967	18.878	0.0932235	0.899998
TXNL1	78.1086	74.2591	-0.0729138	0.93037
OPA3	3.11285	4.85734	0.641929	0.260553
NGFRAP1	166.807	124.109	-0.42657	0.156107
PIP4K2A	8.03331	11.1882	0.477918	0.0995082
NDUFA1	285.952	309.056	0.112097	0.885883
C1QTNF2	1.03618	0.866357	-0.258241	0.811883
MAD2L2	128.75	119.126	-0.112077	0.869253
RANBP2	4.26172	4.90893	0.203971	0.679794
C1orf86	157.598	156.485	-0.0102207	0.994593
CCDC147	0.475454	0.208495	-1.18929	0.0464744
ELP3	11.018	7.12849	-0.628192	0.0220668
ILF2	159.66	199.211	0.319296	0.414529
NUCB2	10.0051	7.21966	-0.47073	0.169436
CDK8	3.97343	3.36402	-0.240199	0.720022
BAG1	18.6689	25.6492	0.458283	0.123296
TGFBR3	0.423637	0.438506	0.0497678	0.975454
OSBPL11	1.31105	2.0743	0.661905	0.0685533
AZI2	16.7756	8.79464	-0.931667	0.00380811
ELK1	29.4598	29.9816	0.0253309	0.980049
FXD5	496.164	462.027	-0.102838	0.884758
LAMTOR2	100.273	103.43	0.0447103	0.962709
ZMYM4	3.64085	3.16451	-0.202293	0.704283
SH3BGRL2	1.48718	1.60631	0.111165	0.906271
PLEKHB2	38.9693	39.3769	0.015013	0.98862
TBC1D16	4.9748	4.41177	-0.173283	0.7876
HOXB2	21.7331	29.677	0.449448	0.207927
RRBP1	17.0885	19.5505	0.194181	0.701667
KIAA0753	2.47992	2.67903	0.111417	0.972727

C19orf24	122.729	166.78	0.442477	0.150319
ZNF707	9.58628	13.7122	0.516422	0.151333
FAM214B	4.20685	2.68346	-0.648643	0.0832671
CEP104	3.48998	3.62916	0.0564164	0.955293
SMCR7L	10.2321	12.932	0.337854	0.326758
BABAM1	56.192	43.0068	-0.385801	0.243499
DUSP22	13.1038	9.64563	-0.442036	0.266976
MRPL44	28.2729	27.4298	-0.0436789	0.964843
NFIC	9.73175	10.8862	0.161733	0.776184
LPCAT1	30.9988	47.88	0.627212	0.0163491
FAM118B	6.72886	10.582	0.653175	0.494605
NR2C1	5.54122	3.97896	-0.477812	0.218545
ACYP1	13.7421	13.1057	-0.0684024	0.954397
C7orf49	22.2842	24.953	0.163195	0.804051
IKBKAP	5.00743	5.97937	0.255923	0.545877
CAB39	9.78505	10.8362	0.147211	0.805764
NDFIP1	28.2943	24.4285	-0.211945	0.642802
ABCF1	14.0973	21.9306	0.637527	0.0143403
CPSF3L	90.4382	71.6429	-0.336109	0.456287
NUDT13	0.889307	0.592975	-0.584712	0.40838
SLC11A2	7.22024	5.5156	-0.388528	0.286272
SH3GL1	69.2579	76.103	0.135976	0.822512
HSD17B12	28.1395	20.4608	-0.459735	0.116756
PCDHA1,PCDHA	0.15222	0.0573109	-1.40927	1
ZFPL1	39.4786	23.145	-0.770372	0.00380811
RREB1	2.99517	2.70089	-0.149203	0.825017
FAM184B	0.177583	0.509643	1.52099	0.0150346
LSM10	64.4277	103.116	0.67852	0.0111246
STX10	95.5967	97.7558	0.0322209	0.974348
NCOA3	1.40709	1.54324	0.133255	0.864177
RTN4R	16.3939	18.2411	0.154035	0.831491
MYO19	13.1279	16.9986	0.372771	0.593856
FUCA1	8.30775	8.55582	0.0424481	0.969826
BCS1L	28.4835	29.5914	0.0550529	0.952429
SOGA1	0.455801	0.482787	0.0829815	0.965318
UTP6	22.237	23.2322	0.0631667	0.943284
OTUD5	25.0264	25.3162	0.0166088	0.986916
NDUFS3	106.329	117.682	0.14636	0.876392
OTUD7A	0.144773	0.136721	-0.0825559	1
NAIP	0.534028	0.416103	-0.359973	0.628025
ACD	39.4326	46.1213	0.226045	0.6214
STK24	38.1025	29.0191	-0.392885	0.217192
ARF5	313.242	293.895	-0.0919765	0.901385
ST3GAL2	3.88513	7.23681	0.897392	0.00153868
LYPLA2	103.447	132.477	0.356841	0.288603
GTF2H4	29.2691	34.1963	0.224457	0.633194
CCSER2	1.81113	1.14314	-0.66389	0.0324264
AATF	52.0904	57.5855	0.144689	0.80233
TOMM70A	20.3897	18.578	-0.134244	0.831834

ATIC	75.9494	69.1117	-0.13611	0.828851
UVRAG	1.61115	1.42741	-0.174696	0.824372
ERLIN1	14.7261	11.4565	-0.362208	0.301163
TUBB4B	843.652	1811.2	1.10222	0.00153868
TIAL1	18.1792	21.2398	0.224483	0.628025
LDLR	13.5457	21.7384	0.682407	0.0111246
RNGTT	3.05871	3.4609	0.178226	0.775951
ACP1	66.4763	66.2037	-0.00592816	0.995202
LRRC8C	3.94952	3.90494	-0.0163791	0.988974
ENO4	0.182809	0.19403	0.0859382	1
ZC3H12A	3.94361	5.31453	0.430426	0.35044
WHSC1L1	4.96721	4.26097	-0.221253	0.678561
WARS2	5.52282	3.89235	-0.504763	0.143573
MR1	1.28844	0.492426	-1.38765	0.00153868
MYO1C	48.6514	44.297	-0.13527	0.820487
NAE1	48.5718	52.6735	0.11696	0.862262
EIF5B	17.4296	31.931	0.873422	0.00153868
CPEB2	0.168605	0.143291	-0.2347	1
CNIH4	138.724	117.549	-0.238959	0.581794
RABGGTB	66.3612	70.6536	0.0904227	0.901684
SCRIB	37.799	60.4664	0.677787	0.00739414
E2F8	1.06929	1.69524	0.664836	0.0976116
GPR126	2.68528	2.43609	-0.140504	0.844936
SFXN4	57.3959	47.2949	-0.279265	0.488843
MAPK13	18.4369	10.0415	-0.876614	0.00153868
TPRKB	49.2277	50.3862	0.0335584	0.974777
TOLLIP	26.2518	25.455	-0.0444684	0.962173
EBP	65.9794	85.0152	0.365704	0.273449
PDHA1	32.0578	30.5208	-0.0708859	0.934251
ARHGAP1	20.0901	15.9822	-0.330018	0.368309
HHLA3	33.1884	26.2537	-0.338156	0.424027
DHX16	18.5322	19.181	0.0496462	0.96692
TJAP1	17.8865	18.3153	0.034178	0.974073
SERPINE1	462.422	404.534	-0.192948	0.722603
LATS2	3.66054	2.69314	-0.442766	0.236137
ARHGEF16	14.001	12.4064	-0.174442	0.774237
SYPL1	49.2078	48.3801	-0.0244719	0.980136
TMEM187	7.9268	1.97469	-2.00511	0.00153868
ORMDL3	17.3826	22.3515	0.362723	0.303477
VPS29	50.5025	44.7599	-0.174149	0.743519
ENPP3	0.00471699	0	#NAME?	1
ARF3	45.8349	50.9088	0.151469	0.789735
TMEM66	59.3547	42.7635	-0.472983	0.246893
GRPEL1	71.0711	108.221	0.606644	0.020985
TMEM236	0.0523	0.0210993	-1.30962	1
TANGO6	2.80541	4.06261	0.534195	0.110167
SERPINF2	0.159937	0.177923	0.153744	1
SLC37A3	10.8282	10.0812	-0.103137	0.888673
ARHGAP26	0.419505	0.714089	0.767416	0.0456351

TMEM167A	8.01776	10.3463	0.367842	0.270846
CELF1	20.2967	23.5889	0.216866	0.664806
FTH1	643.108	566.319	-0.183446	0.73069
TMEM184C	3.98092	3.61866	-0.137646	0.861006
TMEM87B	3.30177	1.75892	-0.908546	0.00153868
UQCR11	85.6402	110.562	0.368489	0.26132
PRPF4	17.7873	30.5888	0.782157	0.00153868
NMRAL1	38.8987	29.7211	-0.388235	0.690491
UBE2T	48.8033	58.7096	0.266618	0.539268
PRIM1	14.1104	6.873	-1.03775	0.00153868
EFCAB11	12.9694	8.16201	-0.668116	0.104824
LPCAT2	1.97012	1.64202	-0.262816	0.637132
MYL12B	598.021	575.287	-0.0559141	0.952126
ICK	2.06091	1.1854	-0.797908	0.00897284
NLE1	38.6358	38.5004	-0.0050654	0.996405
CMTM8	16.2888	14.0972	-0.208472	0.745547
FTSJ2	18.4552	25.5452	0.469021	0.136049
TMEM189, TMEM1	85.4586	93.6134	0.131488	0.836683
HMGCR	5.53305	7.35675	0.410994	0.22323
MSANTD2	1.65184	2.52328	0.611229	0.200395
TMEM14B	96.964	74.3307	-0.383491	0.237712
PPP6R2	13.4099	14.1205	0.0744957	0.960217
LOC653712	0.239814	0.139684	-0.779743	1
ZCCHC17	15.1864	18.9443	0.318981	0.406256
KRTCAP2	384.925	338.509	-0.185381	0.716797
EIF2B1	14.4813	23.1448	0.676501	0.139366
CTBP2	14.9817	18.0341	0.267526	0.518575
DGUOK	64.8542	62.1932	-0.0604444	0.948523
DNM1L	11.4507	12.5541	0.132721	0.83055
ANAPC2	30.026	43.4049	0.531646	0.469232
PALB2	3.47524	3.61625	0.0573839	0.954981
VPS4B	9.68001	8.29133	-0.223405	0.643713
SLC35A4	26.1311	42.1732	0.690561	0.00380811
LOC100506804	0.167399	0.0945438	-0.82424	1
UBP1	17.6698	25.6315	0.53663	0.0491395
CCT6A	97.0139	170.899	0.816882	0.00274688
DGAT1	33.8835	46.9589	0.470816	0.524051
NT5C1B, NT5C1B-	11.6149	13.0783	0.171196	0.784528
OTUD6B	4.36484	7.61263	0.802466	0.00659556
DNAJC10	7.00175	7.13311	0.0268161	0.978818
GATC	8.51728	11.5392	0.438085	0.74504
MRPS15	125.146	142.619	0.18855	0.700954
NHP2	253.465	328.93	0.375993	0.250087
PKDCC	7.52675	8.73523	0.214819	0.721967
ATPIF1	301.668	314.138	0.0584341	0.952184
LOC100505549	1.08663	0.70203	-0.630261	0.342788
MORF4L1	77.7859	79.8718	0.0381781	0.96875
TPST2	15.9508	19.8729	0.317169	0.437301
C2orf82	4.52635	4.8079	0.0870575	0.970185

ABCC11	0.0221724	0.0156728	-0.500503	1
FANCA	6.84733	10.4489	0.609733	0.384397
C1D	21.9777	20.6713	-0.0884091	0.913963
TM2D2	9.69721	10.4672	0.110238	0.880774
SUB1	29.711	39.2342	0.401114	0.206324
NCSTN	24.2784	15.8114	-0.618708	0.284835
TGOLN2	14.9808	13.5775	-0.141901	0.810212
WDR5	45.5681	66.121	0.537085	0.0508243
PREPL	4.91444	3.54941	-0.469449	0.138406
TMEM43	17.6811	22.8042	0.367089	0.272973
ZKSCAN1	2.2148	1.20983	-0.87237	0.00739414
NSMCE1	82.8579	55.469	-0.578959	0.0304296
WDR43	23.7424	28.7549	0.276338	0.483696
LPHN1	13.1978	15.1512	0.199133	0.684382
ASB6	40.4612	69.3077	0.776476	0.0143403
CMTM6	14.5289	17.0997	0.235047	0.599775
MINPP1	7.21018	9.62319	0.416482	0.258496
GPN2	28.2025	26.5093	-0.0893254	0.91609
SEPT2	46.7129	46.0868	-0.0194678	0.990614
PEPD	43.9257	49.1724	0.162785	0.768903
CLTCL1	1.75246	1.03099	-0.765353	0.0351856
MAPRE2	3.10277	4.68416	0.594233	0.0609817
INTS10	28.1023	38.3699	0.449289	0.123524
JPH1	2.82593	4.30263	0.606493	0.0653297
LOC100216545	1.85534	2.2715	0.291963	0.65387
ZNF75D	1.16475	1.32295	0.183745	0.847054
CDRT1	0.0479486	0.022249	-1.10775	1
ALG12	6.10984	7.54527	0.304437	0.547145
TRABD	58.7143	81.2895	0.469357	0.107565
TBRG1	4.73699	5.91871	0.321312	0.61482
HMBS	25.1912	26.0874	0.0504327	0.959358
CCDC77	3.41912	3.46759	0.020308	0.993587
DNAJC24	2.99678	3.71369	0.309443	0.593222
ARPC1A	126	126.259	0.00296409	0.997838
CD276	24.7586	28.3204	0.193907	0.70088
MRPS33	32.0734	25.9133	-0.307683	0.492895
FSD1L	1.27274	0.833967	-0.609875	0.652401
TOX4	10.5988	9.40806	-0.171935	0.836801
MKKS	13.3551	14.6111	0.129674	0.86364
BICD2	10.5352	14.1871	0.429365	0.172285
DTNBP1	21.8424	18.8189	-0.214953	0.687264
AP5B1	8.13238	8.86532	0.124494	0.853094
CRYGS	1.89406	2.49376	0.396845	0.65998
RGPD1,RGPD2	0.00208207	0	#NAME?	1
PAWR	16.5515	12.6859	-0.38374	0.285666
EIF2B5	22.1636	24.1326	0.122794	0.853574
CORO1B	135.707	103.311	-0.393492	0.215447
KIF16B	1.5532	1.81731	0.226561	0.73154
GLTPD2	0.478409	0.575151	0.265697	0.934604

TMEM120B	7.35889	11.0258	0.58332	0.551472
SLC2A8	26.6708	30.8117	0.208217	0.692701
DDX19B	11.8959	7.76886	-0.614685	0.048028
CADM4	12.9861	12.1405	-0.0971387	0.908026
SSRP1	113.091	105.608	-0.098764	0.891606
HGS	87.5439	54.8343	-0.67493	0.00897284
SYCE3	0.591433	0.232543	-1.34672	0.54637
TRUB2	74.8073	72.6952	-0.0413185	0.965163
SPEF2	0.605433	0.24031	-1.33307	0.0181648
CBFB	17.7705	24.8439	0.483407	0.0907094
HTRA2	19.6607	21.8878	0.154808	0.954535
PITPNM2	2.75467	2.78972	0.0182409	0.988433
SH3RF1	1.96988	1.93279	-0.0274239	0.981441
PSMB1	232.175	247.669	0.0932023	0.90073
MPZL1	15.5527	23.6813	0.606582	0.0232503
DUSP6	20.2642	13.3791	-0.598951	0.0304296
SUPT6H	18.1458	18.6038	0.0359587	0.96875
GTPBP4	58.0696	75.7084	0.38267	0.239607
POLR2I	100.12	95.1668	-0.0731943	0.961459
RNF14	5.88719	5.33944	-0.140893	0.835405
ZNF710	8.06388	10.845	0.427477	0.188839
DARS2	6.47404	5.50072	-0.235044	0.640258
TMED5	8.29994	10.8895	0.39177	0.22492
LIN9	1.8636	1.76269	-0.0803141	0.943154
ZNF524	28.7665	16.5855	-0.794464	0.0123712
BTG3	28.3278	29.2471	0.046071	0.961952
DNASE1L2	2.15935	2.81884	0.384501	0.683647
PMM1	56.3837	28.0224	-1.0087	0.00153868
C11orf16	0.0278863	0.0232011	-0.265366	1
OGDH	7.47801	8.46865	0.179478	0.746159
LOC93622	22.5695	32.1191	0.509057	0.0840806
N4BP2L2	13.9731	13.0911	-0.0940641	0.919029
TP53	26.7993	15.1801	-0.820011	0.0338188
RIPK1	6.64982	6.75526	0.022696	0.981602
TFAP4	17.3445	15.1971	-0.19068	0.744254
CLTA	289.472	245.684	-0.23662	0.600049
MBD1	15.3785	14.6637	-0.068659	0.939323
TRMT10A	0.587044	0.667064	0.184356	0.869722
ZNF165	8.95095	4.12468	-1.11776	0.00153868
FBXO32	1.94743	0.565008	-1.78523	0.00153868
BTRC	2.93245	3.49156	0.251762	0.600049
LANCL2	2.66567	4.22077	0.663008	0.0351856
DCLRE1A	2.83265	2.18026	-0.377653	0.378455
TNK1	10.0441	9.31841	-0.108192	0.967343
PRKAR1B	20.2686	30.1254	0.571733	0.267544
UCK1	46.4576	57.0234	0.295639	0.580385
DHX36	7.22898	6.38264	-0.179639	0.751293
SPHK1	237.967	310.65	0.38453	0.231572
PIWIL4	0.458801	0.471318	0.0388302	0.98206

RHBDF2	6.17825	6.29223	0.0263733	0.981441
TLCD2	1.54128	0.700163	-1.13836	0.00153868
MRPS31	9.36221	7.31607	-0.355781	0.421289
C14orf101	3.66157	2.24835	-0.703593	0.0285456
CDC23	8.79068	8.28543	-0.0853985	0.950837
MZF1	12.7909	10.1829	-0.328973	0.48457
FBXO9	6.55156	7.24407	0.144964	0.810769
GTF3C1	7.00994	8.08244	0.205389	0.679486
UBAP2	7.23338	8.92359	0.302955	0.431385
MRPL14	128.423	200.384	0.641857	0.0103919
TAF6L	11.3442	11.7401	0.0494857	0.963969
DOT1L	7.78836	8.77046	0.171331	0.758449
FAM43A	3.53045	3.05995	-0.206347	0.802177
SPCS2	27.8127	31.6117	0.184717	0.718323
RBM17	38.3199	45.0284	0.23274	0.59519
SPCS3	16.1725	20.9003	0.36998	0.253241
DUSP28	3.07715	2.85225	-0.109494	0.945688
MTAP	35.1054	43.7296	0.31692	0.388367
GINS2	26.2661	45.7835	0.801627	0.00153868
LOC113230	4.21534	4.89318	0.215122	0.858729
GBP3	1.67465	2.55943	0.611964	0.108871
KIAA0247	1.86837	2.1352	0.192586	0.786188
TECPR1	5.2717	4.28278	-0.29972	0.497598
PXN	115.761	92.1708	-0.328766	0.363587
EMC1	5.759	6.20943	0.108642	0.881554
FAM65A	20.1431	24.369	0.274755	0.472728
ANKFN1	0.0831031	0.00356286	-4.54379	1
CSRP1	97.9558	102.505	0.06549	0.942184
ALG10B	0.543162	0.310867	-0.805084	0.0416082
LSM3	106.406	125.798	0.241537	0.581567
SRGAP1	0.475184	0.389071	-0.288452	0.703707
FBXL12	13.4036	11.1274	-0.268498	0.592657
PRR19	7.6244	10.7765	0.499192	0.750643
CD9	291.737	211.525	-0.463839	0.108871
KHK	6.58386	13.273	1.01148	0.038486
ARGFX	0.00317572	0.00164204	-0.951597	1
TMEM127	10.6464	11.3456	0.091761	0.906423
RRP1	56.1915	91.8505	0.708935	0.00153868
SLC22A23	1.72974	1.6017	-0.110946	0.909496
ATP6V0E1	221.659	269.91	0.284139	0.444284
FAM213B	21.5548	34.6333	0.684151	0.0253664
CIRH1A	40.3544	42.688	0.0811029	0.916372
COA4	109.927	150.062	0.449011	0.20116
NRN1L	0.377854	0.479679	0.344239	0.930173
C2orf47	20.6425	24.0421	0.219945	0.75717
PSMD13	119.278	129.122	0.114402	0.866988
HSPA12B	0.0934468	0.434079	2.21574	0.0647668
SLC25A35	1.74571	1.45809	-0.259726	0.951272
DLG5-AS1	0.777619	0.547215	-0.506957	0.495723

UBE2D3	124.277	130.486	0.0703349	0.934861
MRPL40	86.0001	70.6376	-0.283902	0.480807
RFWD3	9.32957	9.24429	-0.0132486	0.990675
ZNF384	15.6639	15.6606	-0.000306277	0.999234
ZNF768	52.2245	45.235	-0.207285	0.659482
ATP5J2,ATP5J2-F	780.767	904.501	0.21223	0.810757
EMC4	97.473	96.7462	-0.0107971	0.993157
SART3	12.3285	14.1616	0.199983	0.681681
AKTIP	6.34002	4.0154	-0.658943	0.211369
CSK	78.0311	100.48	0.364788	0.265185
EPGN	0.0218161	0	#NAME?	1
POLE	6.15112	7.14879	0.216849	0.652628
MRS2	10.0552	13.6667	0.442725	0.145411
RBPM5	29.8181	18.7529	-0.669076	0.0605998
NR5A1	0.0407673	0.0291316	-0.48483	1
SCRN3	1.52748	1.09042	-0.486265	0.347606
MTMR9	1.27597	1.34348	0.0743758	0.945336
SNHG9	64.8337	129.39	0.996907	0.0117316
CCDC111	2.42557	1.34812	-0.847374	0.463667
RBM12B-AS1	1.01456	1.15975	0.19295	0.975654
BCL9	1.68697	1.65294	-0.0294001	0.980052
PAQR3	4.9797	6.71699	0.431756	0.203128
LMAN2L	6.90484	10.7014	0.632117	0.0338188
TRIM11	21.3628	24.7082	0.209889	0.674634
UBE2I	85.6333	70.7396	-0.275654	0.491782
TRIM24	4.01391	3.0549	-0.393883	0.307984
NSRP1	8.64186	7.34974	-0.233648	0.632457
RTN3	55.7688	48.8936	-0.189814	0.711178
ZNF569	0.00813219	0.0157741	0.955844	1
KRT7	3.87255	3.24025	-0.257181	0.767223
CCDC12	40.9375	53.0317	0.37343	0.50844
LIMS1	3.79037	3.36072	-0.173568	0.788938
MTHFS,ST20,ST2	19.6579	23.3618	0.249047	0.797899
NUS1	12.2139	18.3921	0.590565	0.0187307
HCFC1	9.35427	14.69	0.651142	0.00820276
SLC25A5	533.4	455.439	-0.22796	0.619728
SPATA13	1.66272	2.43057	0.547746	0.101333
MED20	3.76015	2.42207	-0.634547	0.0832671
MED29	10.1918	9.53602	-0.0959468	0.900639
PHLPP2	1.42253	2.22955	0.648287	0.034328
NOTCH1	7.11786	11.1356	0.645659	0.0143403
PGM2L1	0.428276	0.407322	-0.0723705	0.957857
GSTO1	708.68	513.22	-0.465557	0.121135
CCDC69	4.26043	4.33823	0.0261094	0.981543
KIAA0368	20.0524	17.7581	-0.175296	0.745874
BTN2A2	3.18353	2.58227	-0.301987	0.583112
C20orf24,TGIF2,T	88.2484	146.084	0.727154	0.0143403
URM1	80.3087	75.637	-0.0864637	0.911227
BEND3	1.51843	2.7231	0.842676	0.00739414

VEGFA	24.0174	14.63	-0.715151	0.00274688
PRSS23	3.22343	3.47341	0.107758	0.900659
C1orf112	3.14866	2.48607	-0.340872	0.522408
CNPY4	1.86286	2.71176	0.541711	0.964843
REPIN1	114.406	118.188	0.0469218	0.960032
TADA2A	4.22432	2.40242	-0.814231	0.0429833
DYNLT1	93.8312	83.7736	-0.163571	0.773952
WDR74	66.114	90.3701	0.450891	0.129711
LOC152217	28.5481	32.9701	0.207765	0.684018
PPIB	686.778	794.21	0.209677	0.664979
EIF3I	258.581	256.705	-0.0105041	0.992797
AGPS	4.0623	4.21883	0.0545447	0.953159
FAM58A	39.8021	63.8317	0.68143	0.00820276
PRDX2	611.984	692.293	0.177889	0.738519
HMGXB3	16.0652	16.1388	0.00659539	0.994734
TET3	1.15992	1.29658	0.160679	0.82965
PMPCA	148.763	207.267	0.478474	0.100178
CDC25B	22.1136	20.5448	-0.106156	0.885653
ZNF720	2.37397	1.82541	-0.379079	0.461654
PRPF31	52.6402	69.808	0.407226	0.231051
PIN1	95.7666	85.2599	-0.167656	0.764196
PSMD2	344.435	310.289	-0.150621	0.810133
LINC00857	1.12191	0.630517	-0.831346	0.13407
WDR70	9.78885	6.79988	-0.52563	0.0981523
RNMTL1	31.2774	40.3322	0.366814	0.532767
LMNB2	46.7349	63.5492	0.443373	0.141952
ATG9A	25.514	21.7092	-0.232979	0.600595
TMA16	12.4146	12.6474	0.0268073	0.98003
ZZEF1	1.87451	1.91537	0.0311034	0.977897
FLJ37505	0.00781153	0	#NAME?	1
PLK1	68.3776	82.2634	0.266727	0.520721
ATP11A	2.38079	2.52514	0.0849257	0.925194
NFXL1	3.88515	3.07549	-0.337154	0.437301
ARFGAP1	31.0895	40.4207	0.378669	0.249717
CARD10	7.67319	6.55469	-0.227298	0.688971
DCAF13	54.0634	78.6818	0.541377	0.127176
NUP160	6.71043	6.73987	0.00631507	0.994734
FBLL1	0.346919	0.686038	0.983689	0.527665
TFPI	26.7763	13.2655	-1.01328	0.00153868
MGAT5	4.19035	5.03762	0.265673	0.522516
NAGA	12.756	8.5859	-0.571133	0.0460785
SEMA6B	19.1239	14.5215	-0.397181	0.245022
KCNN4	19.6975	12.579	-0.646992	0.0285456
PIGS	19.4392	17.8576	-0.122426	0.859038
ALKBH8	1.07023	1.20225	0.167824	0.852039
C4orf21	0.582276	0.434364	-0.422801	0.774294
LOC100133315	0.417739	0.465485	0.156133	0.947681
C1orf35	32.011	50.1648	0.648107	0.0198871
ASB16	0.27106	0.320884	0.243439	1

NFIB	2.65795	2.46496	-0.108753	0.886331
NOL7	124.557	142.828	0.197463	0.691509
BCORL1	2.82766	3.25698	0.203922	0.727839
CAPS2	0.0520307	0.030052	-0.791902	1
UGGT1	3.91324	3.577	-0.129614	0.839812
LMNB1	11.0805	20.548	0.890976	0.00153868
RECQL4	28.0524	45.2088	0.688479	0.00739414
METRNL	63.3894	61.0917	-0.0532667	0.954349
C3orf62	2.86784	2.95811	0.0447116	0.968712
RECQL	5.83943	4.94239	-0.240619	0.713282
POLR3C	15.9291	8.65062	-0.88079	0.00153868
PGGT1B	4.41482	3.87691	-0.187449	0.773159
G3BP1	38.9575	66.9927	0.782104	0.00153868
DNAJC13	2.69305	2.09151	-0.364698	0.345746
BECN1	21.4457	19.5342	-0.134685	0.836427
LOC100507140	0.00971245	0.00566371	-0.778087	1
TOR1AIP2	20.655	17.7731	-0.216803	0.642161
CRIP1	8.04432	7.28515	-0.143011	0.852718
PLIN5	1.35502	0.438253	-1.62848	0.00897284
UBE2E1	77.7861	55.2365	-0.493892	0.0851513
CENPL	4.23721	2.97293	-0.511226	0.208318
E2F6	8.72378	10.5129	0.269131	0.530199
LRTOMT	1.34462	0.808992	-0.732997	0.86364
BCAP31	258.102	278.692	0.110731	0.875573
MED25	22.5888	17.9498	-0.331642	0.401008
MINOS1P1	0.0368879	0.0276841	-0.414091	1
UBE2K	15.4337	18.164	0.234992	0.604499
GLIPR1L1	0.026329	0.0233374	-0.174008	1
SSR2	335.107	339.897	0.0204752	0.983165
PARP1	27.9828	33.79	0.272054	0.500234
GEMIN4	21.1862	30.2657	0.514559	0.0723025
LARS2	6.18442	6.82248	0.141659	0.83055
CPS1	0.725263	0.2274	-1.67327	0.00153868
AMBRA1	6.10193	5.59174	-0.125967	0.86364
LARP1	27.4547	36.6698	0.417538	0.188839
SCARNA4	2.15924	0	#NAME?	1
FAM227A	0.196984	0.259811	0.399383	1
RBBP9	3.04091	2.26083	-0.427653	0.306888
PLD6	15.0763	17.7409	0.234803	0.622994
CLDN6	0.122992	0.125037	0.0237988	1
TMEM236	0.00720704	0.00369895	-0.962292	1
SMPD2	12.0037	16.2416	0.436207	0.253875
E2F3	4.05309	5.38512	0.409958	0.252411
STS	0.276579	0.505535	0.870117	0.0738934
CD274	0.768977	0.660052	-0.22036	0.821569
BTF3L4	16.0843	9.55866	-0.750774	0.00380811
NDUFA9	54.9802	55.0707	0.00237389	0.998382
PPM1H	1.57389	0.93451	-0.752051	0.0347593
CAMSAP3	12.6802	14.6542	0.208727	0.693923

PCNXL2	1.16985	0.694639	-0.751988	0.0596515
CCDC167	22.4542	23.1582	0.0445359	0.971057
TTC5	10.8066	10.569	-0.0320745	0.977648
ARGLU1	41.9445	51.767	0.30355	0.419619
ZNHIT2	27.7551	34.3258	0.306538	0.522524
SRPR	26.2336	31.3757	0.258236	0.604499
PTOV1-AS1	2.40356	2.81791	0.229455	0.947795
GLCE	1.11093	1.17078	0.0756931	0.952114
BCL10	31.7537	16.9771	-0.903336	0.00153868
C7orf41	3.52043	2.3664	-0.573059	0.0650492
NUDT9	7.6052	9.86713	0.375645	0.30134
ZNF425	0.819431	0.44908	-0.867651	0.138121
NUBP2	106.301	124.92	0.232848	0.601696
SLC7A6	5.18853	8.62947	0.733945	0.0264621
EVA1B	28.5423	33.4201	0.227616	0.70639
LINC00294	2.87721	3.57353	0.312676	0.531341
SMG5	17.8541	33.7485	0.918564	0.00153868
MAP3K13	9.93497	8.65433	-0.199093	0.739297
LYSMD2	11.6783	17.9462	0.619848	0.0410754
DGCR10	0.0230426	0.0410892	0.834454	1
PCDHB10	0.398066	0.138743	-1.52059	0.0447624
USF1	21.7662	35.8851	0.721297	0.00572929
HDAC1	67.5052	66.0529	-0.0313763	0.975492
ASCC2	21.7244	19.9464	-0.12319	0.854729
LINC00467	10.4348	4.92028	-1.08459	0.00659556
DUSP16	2.71066	1.78163	-0.605447	0.055778
DNA2	0.998727	1.45552	0.543374	0.212956
C19orf66	8.58892	11.5662	0.429368	0.317796
FABP6	8.45412	5.64498	-0.582685	0.274831
SNRNP40	41.8916	45.4124	0.116425	0.868033
EIF4G3	3.68419	3.60039	-0.0331951	0.975484
SPHK2	9.78533	10.1025	0.0460151	0.994204
CWC27	10.0703	7.77511	-0.373167	0.317314
KRCC1	3.73427	1.38175	-1.43433	0.00153868
NPIP	50.6591	44.5194	-0.186388	0.727665
STK38	5.22638	7.50428	0.521902	0.0933464
MACF1	4.72987	3.70597	-0.351948	0.324946
GNA15	8.09905	11.1969	0.467275	0.210317
GPR107	16.1773	12.3479	-0.389703	0.222215
RBM10	39.1149	28.0192	-0.481302	0.0999674
WDTC1	1.13264	0.847883	-0.41775	0.497279
GPR1	0.0567727	0.0241332	-1.23418	1
TTC31	5.43846	4.20468	-0.371203	0.722089
PUF60	224.431	321.75	0.519665	0.073625
PRKCSH	248.885	183.391	-0.440555	0.138646
RDH13	9.46422	17.8799	0.917785	0.00153868
ANKRD13B	9.69856	19.005	0.97054	0.00153868
ZNF317	10.2786	9.40515	-0.128121	0.852718
FAM22G	0.117158	0.24175	1.04506	1

SQLE	18.297	33.8304	0.886715	0.00153868
ELAC2	31.8425	44.7403	0.490622	0.094542
SPATA2	4.97707	8.00609	0.685801	0.0117316
CHCHD10	345.436	367.884	0.0908332	0.903223
CHST6	0.0269003	0.0293467	0.125577	1
RGL1	0.353858	0.307246	-0.203777	1
PRR7-AS1	0.8052	0.782512	-0.0412354	0.997479
ADO	8.04662	9.9146	0.301171	0.450707
KRT10	16.0461	19.5107	0.282044	0.628907
TTC26	2.46428	2.03125	-0.278796	0.688049
PAFAH2	3.42611	3.22705	-0.0863583	0.933369
FGFBP3	1.7192	2.10588	0.292684	0.694688
AGPAT5	10.3119	11.6949	0.181566	0.727236
COPS5	68.9878	58.3824	-0.240807	0.567515
RELB	12.6834	17.3544	0.452357	0.209241
PAG1	0.0726773	0.0384754	-0.917569	1
ACADM	12.2896	11.1339	-0.14247	0.824372
C1orf27	3.21779	2.71976	-0.242593	0.879055
LRRK1	1.32718	1.29597	-0.0343256	0.978818
URI1	13.4435	15.0552	0.163354	0.774294
LOC338758	0.0297347	0.0241837	-0.298113	1
USP43	1.25288	1.19968	-0.0626014	0.965886
MBTPS1	16.1826	14.7704	-0.131737	0.836347
CWC25	6.68285	7.24764	0.117048	0.876392
ZNF362	2.50168	1.68041	-0.574088	0.241211
BYSL	40.21	59.4618	0.564409	0.0410754
HEATR5A	0.855991	1.044	0.286448	0.614872
DDR1	10.7105	11.492	0.101602	0.899607
PGBD2	1.92335	2.09698	0.124689	0.915089
MAGT1	8.94375	8.53902	-0.0668092	0.938543
BOP1	78.8608	142.352	0.852081	0.00153868
LDLRAP1	9.53558	10.6344	0.157347	0.80636
SCAF1	17.6799	23.2818	0.397087	0.219046
GRB2	41.1404	49.4161	0.264425	0.51289
KLHL8	1.56273	1.45476	-0.10329	0.916584
LACTB2	17.7892	10.0527	-0.823413	0.00274688
CCDC88B	5.48201	2.97089	-0.883809	0.00897284
PLEKHA3	6.68019	5.42864	-0.2993	0.8041
LIMD1	4.90826	6.67554	0.443674	0.265388
C7	0.00412418	0.00214023	-0.94634	1
MRPL34	92.8241	132.835	0.51706	0.0621442
DMWD	10.8731	10.4434	-0.0581706	0.952184
PPP1R37	12.586	11.6831	-0.107403	0.893674
MAP3K11	18.3865	25.8291	0.490354	0.0910503
WAPAL	5.58032	6.65901	0.254961	0.542814
NRD1	24.6102	19.0093	-0.372555	0.415392
CAGE1	0.00515192	0	#NAME?	1
CYP2U1	2.11457	1.3922	-0.603001	0.104245
PINX1	14.3964	21.8925	0.604727	0.0438785

SPOCD1	13.3748	10.3045	-0.376246	0.283754
ZIC5	1.50993	1.45999	-0.0485268	0.970539
MLANA	0.0122304	0.0147717	0.272369	1
UBE2N	43.3918	65.8699	0.602196	0.0181648
FDPS	73.8131	86.499	0.228806	0.749043
UCA1	13.1639	6.68232	-0.978164	0.00153868
LOC100134229	4.6686	2.10645	-1.14818	0.00153868
FCF1	12.2225	12.1428	-0.00943551	0.994068
C9orf142	162.372	204.459	0.332508	0.339092
WFS1	13.9203	15.2085	0.127683	0.856812
ALAS1	32.4864	37.0643	0.190194	0.706481
LINC00515	0.293639	0.246038	-0.25516	1
KIAA1524	2.15085	3.72215	0.791228	0.0484091
LETM1	14.9453	26.7246	0.838477	0.00153868
MUL1	19.6743	15.6733	-0.328003	0.396533
LEMD2	27.7622	20.757	-0.419528	0.186094
CSNK1A1	34.604	22.0783	-0.648311	0.0103919
CYB5B	12.4774	14.8796	0.254021	0.539297
HMG3	26.4687	30.0336	0.182288	0.762698
METTL5	67.5722	41.3703	-0.707835	0.324591
FAM83D	16.5734	22.0924	0.414681	0.213961
RAB5C	82.2935	107.549	0.386139	0.224562
ACVR1B	6.83638	5.61846	-0.283058	0.514736
EVI5L	7.24773	4.51612	-0.682446	0.0399087
ZNF662	0.00297086	0	#NAME?	1
ELP6	29.5572	31.5339	0.0933949	0.904905
RPN2	84.916	84.5211	-0.00672433	0.994593
MTBP	2.66885	2.40166	-0.152189	0.969667
CIAPIN1	25.8312	38.3299	0.569357	0.140686
INO80	3.54778	3.83742	0.113221	0.880754
DONSON	11.1542	11.5883	0.0550732	0.954501
LOC643837	2.3542	3.55565	0.594876	0.0717202
NPDC1	290.718	276.387	-0.0729313	0.931668
REXO1	16.1736	17.7232	0.131996	0.838491
ZNF697	1.89077	2.12475	0.168319	0.827336
OS9	64.6074	52.7274	-0.293147	0.449713
MRPL35	11.3827	12.9451	0.185565	0.765267
BRSK1	10.1049	8.39587	-0.267309	0.601696
MTRNR2L6	0.930966	0.59021	-0.657499	0.368826
DAGLB	22.5164	16.2906	-0.466942	0.140535
MAN2A1	0.630234	0.545137	-0.209267	0.840893
DNAJA2	28.8817	28.991	0.00544733	0.995202
LINC00032	0.00576301	0	#NAME?	1
FAM196A	0.0124464	0.0129111	0.0528745	1
LYPD6	0.94206	0.722604	-0.382613	0.536166
SIPA1L3	4.06626	5.12082	0.332671	0.406838
IMMT	42.3512	32.4827	-0.382734	0.236137
DNAJB7	0.238614	0.209363	-0.188674	1
MRPS17	74.9984	130.219	0.796004	0.00153868

NAP1L4	51.8816	65.7483	0.341731	0.306426
ZNF358	58.0243	33.1703	-0.806767	0.00274688
CHD5	0.0404247	0.0350954	-0.203954	1
C7orf50	92.4668	105.297	0.187458	0.723139
HEATR6	3.12125	2.99428	-0.0599156	0.954501
LOC642846	3.75069	3.93544	0.0693706	0.950252
HMOX2	40.7385	68.1754	0.742857	0.0150346
POLR2J4	0.897953	0.787415	-0.189516	0.916694
TNFSF9	19.8014	22.5888	0.190007	0.746108
TPTE2P3	0.00654483	0	#NAME?	1
ARF1	326.865	372.521	0.188628	0.71451
PRPF38B	11.2716	16.0668	0.511393	0.0689012
TMEM165	48.1781	46.1187	-0.0630285	0.942184
SNHG8	383.154	271.326	-0.497898	0.162703
STRIP1	7.20317	8.63733	0.261953	0.575157
ZNF280C	1.99994	1.30894	-0.611557	0.0943483
SREBF1	25.3158	29.5836	0.22476	0.681816
TRADD	10.7777	12.2229	0.181538	0.820912
MAFK	9.10516	11.4098	0.325522	0.650967
KCTD18	2.81821	1.46206	-0.94677	0.00970147
COX7B	351.188	362.971	0.0476123	0.958852
PRRT3	1.3655	1.0335	-0.401897	0.717284
NEURL4	3.63444	5.49651	0.596783	0.0653297
TFCP2	2.88566	3.36031	0.219692	0.720235
TBCEL	1.44255	1.05114	-0.45667	0.368309
BANF1	253.824	310.396	0.290282	0.523627
TBC1D19	1.98085	1.0384	-0.931754	0.0365493
DRG1	66.8139	66.9308	0.00252391	0.998382
ZMYND19	91.4679	155.822	0.768565	0.00380811
KLK14	0.191198	0.32867	0.781575	1
SLC19A2	8.45215	6.07929	-0.475415	0.152252
VANGL1	1.74725	1.98381	0.183188	0.770773
MARK2	11.3196	15.4562	0.449361	0.155139
BRAT1	25.2038	34.378	0.447843	0.136495
GRIP2	0.049374	0.129126	1.38695	1
URB1	5.11112	6.76695	0.404866	0.201817
NIP7	24.8294	36.7829	0.566983	0.105057
MANEAL	12.6015	17.3849	0.464239	0.14504
UPF1	22.9348	38.7161	0.755393	0.00153868
POLR3A	5.31883	6.33466	0.252159	0.568365
LOC401242	0.00695889	0	#NAME?	1
ARL6	0.920051	0.997606	0.116758	0.948152
SLC25A45	1.94103	0.684849	-1.50297	0.00478151
ZFR	9.12905	9.55718	0.0661212	0.938939
SBDS	57.0181	64.9822	0.188625	0.705202
SIK3	3.20096	2.66047	-0.266825	0.585998
SLC35A5	3.44199	2.01015	-0.775942	0.0156935
APRT	246.893	283.147	0.197668	0.686715
TRIM59	0.127309	0.19741	0.632854	1

IFI27L1	21.8312	14.4365	-0.596674	0.129159
SMPD4	22.296	29.4438	0.401178	0.679589
C14orf79	7.47246	7.69674	0.0426651	0.969975
FBRS	25.8215	25.4433	-0.0212898	0.98217
RNF32	1.94911	1.05508	-0.885466	0.0614148
E2F1	15.3861	23.2879	0.597953	0.0308509
AP4B1	6.60388	6.0193	-0.133719	0.860285
MEF2C	0.00329001	0.00143937	-1.19265	1
CCDC84	14.8586	20.1264	0.437797	0.970185
PGM2	8.78976	8.39698	-0.0659536	0.94188
MLXIPL	5.80696	2.16331	-1.42454	0.00153868
FLNA	86.6021	77.183	-0.166118	0.779141
ANAPC11	125.573	115.306	-0.123054	0.855105
METTL22	7.29143	4.92736	-0.565385	0.151114
EIF2B2	19.9272	26.5138	0.412006	0.211701
LOC100129518	0.236024	0.196313	-0.26578	1
WASF1	3.30836	3.04954	-0.117522	0.900642
RRP1B	16.7862	30.2602	0.850143	0.00153868
PSMD6	90.2985	92.1347	0.0290432	0.976572
PPP6R1	43.4485	57.0636	0.393265	0.215636
HRSP12	55.9857	48.9309	-0.194313	0.698982
CCDC6	10.254	8.32959	-0.299875	0.424975
PCDHB13	1.97807	1.42992	-0.468161	0.346301
ZC3H8	11.847	9.98119	-0.247239	0.614872
ALDH9A1	37.5591	28.957	-0.375254	0.255063
FOXM1	23.8414	28.242	0.244372	0.636453
SDHAF2	34.4117	37.483	0.123337	0.860871
FGFRL1	12.5509	11.787	-0.0905964	0.908026
MRPS35	39.102	35.0762	-0.156751	0.78622
TIMM10B	9.53581	14.3508	0.5897	0.285746
MCMBP	16.228	21.4648	0.40349	0.202223
FBRSL1	20.6729	32.9324	0.671769	0.0117316
ADAMTSL5	5.50902	4.70067	-0.228928	0.726456
CDRT4,TVP23C,T	9.43547	6.10821	-0.627345	0.0537703
PTMS	235.905	294.179	0.318489	0.382557
PIN4	12.3343	10.8587	-0.183832	0.852179
SPRYD3	29.9104	27.8485	-0.10305	0.888541
AP1AR	7.89358	5.78257	-0.448968	0.198233
GTPBP5	6.80665	7.48909	0.137845	0.859197
ASPM	1.88885	2.16471	0.196664	0.754103
TARDBP	17.6789	38.2664	1.11405	0.00153868
NKIRAS2	14.1211	11.2408	-0.329108	0.881798
LOC100507250	0.212993	0.0627025	-1.76421	1
TAF8	5.13793	4.78784	-0.101814	0.900642
PMS1	4.24076	4.48334	0.0802505	0.970681
UBE2A	30.6382	37.8326	0.3043	0.421289
LOC388796	126.652	141.73	0.162276	0.773721
TPK1	0.697827	0.820121	0.232966	0.838902
LAPTM4B	1.13427	0.480423	-1.23939	0.0238313

MORN1	1.1338	0.5705	-0.990874	0.361239
NECAP1	8.58909	7.45283	-0.204718	0.716952
STX1A	21.394	16.8512	-0.34436	0.368389
ATP5B	520.484	502.712	-0.0501231	0.957519
MRT04	50.0973	90.5246	0.853577	0.00153868
HNF1A	0.428324	0.801071	0.903227	0.145921
DLG3	7.40943	4.38713	-0.756084	0.00274688
SMARCAD1	2.45157	2.5689	0.0674463	0.950837
GPX8	15.3264	16.2201	0.0817673	0.914837
RAB36	3.69461	4.06142	0.13656	0.868033
HNRNPF	122.209	155.957	0.351793	0.316048
SLX4	1.35094	1.54014	0.189104	0.805402
KIAA0355	1.38428	0.805599	-0.781002	0.0285456
CASP3	6.60395	7.502	0.183946	0.7593
XPO5	19.1081	19.2141	0.00798343	0.994204
HN1	127.932	152.001	0.248699	0.557876
ASPSCR1	24.7534	16.2041	-0.611273	0.0515699
CSE1L	57.408	47.1371	-0.284389	0.4662
FBXO25	16.582	9.51289	-0.801666	0.00153868
BUD13	12.4695	13.1648	0.0782765	0.93285
GMPR	14.2128	9.24221	-0.62088	0.0512103
PON1	0.0211375	0.0249829	0.241135	1
MRFAP1L1	40.3445	46.1059	0.19258	0.699003
FAM20A	0.0180943	0.0241949	0.419166	1
GHDC	15.3829	9.93088	-0.631337	0.0365493
DDX52	5.37536	5.28234	-0.0251855	0.980228
DPY19L3	2.53079	2.50373	-0.0155068	0.990421
AP5S1	6.5981	6.78876	0.0410967	0.975454
SREK1IP1	3.96623	5.05166	0.348989	0.31775
PLAC8L1	2.54245	3.20959	0.336172	0.738519
SLC25A33	26.436	26.8909	0.0246099	0.980818
ALG5	35.9703	28.5912	-0.331234	0.367775
NPM3	183.616	209.999	0.19369	0.698819
LEF1	8.76781	7.54587	-0.216529	0.696963
ZNF623	5.0177	3.03669	-0.724527	0.0143403
IL13RA1	8.11492	7.31449	-0.149821	0.806525
UBE3C	18.9241	24.6868	0.383517	0.236532
TOR4A	58.4708	72.2256	0.304795	0.405553
FANCM	0.410485	0.686511	0.741953	0.0621442
ARID3B	3.96643	2.74223	-0.532492	0.137552
CRYBB2	7.16339	7.36358	0.039766	0.978016
GREB1	0.0939428	0.0282806	-1.73197	1
TRIM35	6.04441	6.1814	0.0323308	0.97563
LOC100505695	2.99895	0.780758	-1.94151	0.00153868
WRAP53	22.4621	32.5893	0.536905	0.40075
DHX37	12.9889	27.2094	1.06683	0.00153868
USP6NL	3.19309	2.7045	-0.239591	0.665667
SLC12A9	28.0587	34.664	0.304989	0.420709
CASP9	4.53608	3.10463	-0.547025	0.210791

ACHE	6.05096	6.79048	0.166349	0.840418
LARP4	2.82008	4.97808	0.819851	0.00274688
TMED9	184.416	212.4	0.203817	0.679452
POLDIP2	60.5273	61.7825	0.0296125	0.978818
DLD	28.4533	24.9988	-0.186738	0.709934
GABPB1	8.5274	8.72779	0.0335099	0.978818
SLC18A2	1.33338	1.43195	0.102903	0.927404
MOB2	27.5687	27.8712	0.0157402	0.996035
TMX4	7.28096	6.33253	-0.201345	0.733012
RSL24D1	153.835	97.9281	-0.651592	0.0111246
USMG5	427.536	483.936	0.17877	0.759631
TCTE3	0.0715298	0.058297	-0.295123	1
CDS2	5.00976	4.27882	-0.227529	0.625013
ZNF271	3.57874	5.23737	0.54939	0.0609817
RAB3IL1	5.8338	6.37184	0.127273	0.884031
APH1B	4.07531	2.25088	-0.856417	0.00380811
PWWP2B	25.857	21.7704	-0.248187	0.597911
RPP40	12.096	18.81	0.636968	0.0442243
IMMP1L	4.45151	4.39664	-0.0178935	0.994734
CHPT1	15.3217	16.0015	0.0626308	0.948368
DCAF15	29.2302	29.2749	0.00220171	0.998382
DDX51	9.66467	13.5345	0.485849	0.107753
CDO1	0.0471555	0.0238689	-0.982295	1
FAM72D	1.54561	0.730805	-1.08062	0.0176564
MPDU1	59.7677	93.2819	0.642231	0.0143403
DPH1,OVCA2	115.682	112.37	-0.0419055	0.96692
IGSF3	1.47727	1.41314	-0.0640296	0.954167
C16orf80	43.7105	44.8054	0.0356936	0.971173
ATF6B	43.8283	26.3663	-0.733167	0.00478151
UNC93B1	35.7455	25.682	-0.477002	0.126736
ATP1A1	86.6555	89.6646	0.0492478	0.958133
KIAA0020	15.8332	22.7844	0.525097	0.0732377
USP16	6.29446	6.57414	0.0627189	0.947962
HNRNPL	196.62	169.964	-0.210176	0.663395
CCT3	352.451	397.602	0.173905	0.757708
CHMP1A	50.5231	67.7824	0.423968	0.209241
UBL7	56.5817	45.8395	-0.303743	0.420653
C21orf91	1.40343	1.20068	-0.225109	0.744922
PRPS1	27.3912	41.9155	0.613772	0.020985
MOB1A	25.5743	22.9996	-0.153082	0.806275
CBFA2T3	1.75218	2.37401	0.438179	0.41867
NKX3-1	4.47621	5.80179	0.374221	0.363109
SRFBP1	28.7096	17.152	-0.743156	0.00380811
VIM	9.91735	4.27625	-1.21361	0.00153868
CYTH1	4.12686	5.68309	0.46163	0.206668
FAF2	11.1159	9.92946	-0.162834	0.76946
PTPN9	7.23816	6.25321	-0.211026	0.684216
PSMD12	36.3441	51.237	0.495464	0.0784883
FAM118A	5.7105	5.67378	-0.00930704	0.994204

EVA1C	9.65889	14.3987	0.576005	0.0756592
CDKN2AIPNL	35.6495	28.7866	-0.30848	0.447372
BSG	698.122	714.596	0.0336494	0.974348
CREM	21.2535	14.6202	-0.539742	0.102273
C16orf55	8.19257	14.9446	0.867235	0.640772
NHLRC2	1.18467	0.827774	-0.51718	0.213825
GSTZ1	25.5622	17.052	-0.584075	0.057213
PTPMT1	18.0268	21.144	0.230104	0.845191
RALY	45.6351	43.3467	-0.0742205	0.928779
KIF21A	1.15597	0.950501	-0.282338	0.630091
DUS4L	6.3334	2.33555	-1.43922	0.0894386
C2orf42	2.69579	2.79481	0.0520427	0.967458
SETD3	11.3457	14.0845	0.311955	0.431794
TERT	1.15281	1.48291	0.36328	0.642337
SLC35B3	7.8971	7.35844	-0.101922	0.907121
THOC7	44.7836	40.4641	-0.14633	0.809397
ZNF703	5.55171	8.32004	0.583659	0.235968
MPLKIP	26.9641	20.5499	-0.391907	0.323124
CCDC173	0.0319864	0.0288982	-0.146484	1
EMC6	163.199	190.918	0.226327	0.867291
ERI1	6.93573	6.78568	-0.0315526	0.975484
CYB5R3	59.6983	66.0048	0.144883	0.808953
KIF22	62.7052	68.0068	0.117093	0.866771
LOC642361	2.45722	2.3339	-0.0742798	0.967296
SMIM11	17.5122	25.8127	0.559719	0.0784883
RANGRF	69.4755	68.2828	-0.024982	0.981441
PGBD4	0.538611	0.292712	-0.879763	0.230647
MFSD9	2.16318	2.55361	0.239383	0.74725
INPP5B	5.7083	3.68271	-0.632292	0.0347593
IPO7	14.7735	15.794	0.0963699	0.895777
GLB1L2	20.3789	26.5406	0.381127	0.252509
SEC11A	173.53	154.491	-0.167666	0.769085
LRRC45	9.64355	9.82445	0.026812	0.981441
TPM3	72.8256	90.0847	0.306837	0.413223
PSAP	239.492	166.549	-0.524029	0.0647668
FLT3LG	8.71336	5.14046	-0.761331	0.0832671
TNFAIP2	7.71969	10.1219	0.390868	0.273449
MAD2L1BP	39.519	45.5149	0.203794	0.678338
PGAM5	45.2717	94.0789	1.05526	0.00153868
ANXA3	0.010522	0	#NAME?	1
SH2D2A	5.1734	1.89009	-1.45266	0.00153868
HESX1	0.452998	0.109091	-2.05397	0.106507
NCAPH2	20.9992	20.6671	-0.0230008	0.990227
SLC36A2	0.00572959	0	#NAME?	1
ERAL1	55.0353	54.3987	-0.0167831	0.986998
ATR	1.05107	1.22036	0.215441	0.728711
NHP2L1	162.385	203.074	0.32258	0.369226
VWA5B2	3.60862	1.35353	-1.41472	0.392448
SOS2	1.79381	1.09811	-0.708007	0.0399087

POLR3G	4.3151	9.04268	1.06736	0.00153868
EIF3M	146.909	123.166	-0.254323	0.572437
FANCC	3.30179	3.37125	0.030035	0.978818
POP4	14.0687	19.222	0.450265	0.142786
TRAIIP	6.57596	6.09663	-0.109189	0.899621
ING3	8.31525	4.39941	-0.918449	0.00153868
CLN5	6.28359	5.46648	-0.200978	0.731008
MTMR6	3.67361	3.51112	-0.0652679	0.945688
CEACAM1	0.032395	0.0122174	-1.40683	1
PGP	11.3389	25.0602	1.14412	0.00153868
LOC922249	5.59788	3.09911	-0.853025	0.00478151
PANX1	3.85274	3.71348	-0.0531141	0.962865
CENPJ	1.23832	1.66364	0.425961	0.317095
RPS6KA4	42.9512	69.4521	0.693321	0.00572929
MRPL16	69.9205	82.8867	0.245425	0.58009
STRN4	48.4151	45.4163	-0.0922468	0.907431
KITLG	0.207265	0.26384	0.348187	1
FARP2	0.652573	0.697522	0.0961001	0.959927
ZNF777	17.4373	16.3349	-0.0942234	0.905839
MIPEP	13.7169	10.0208	-0.452965	0.162857
IMPDH1	95.7557	168.591	0.816098	0.00153868
INPP5A	7.33549	9.74783	0.410189	0.261731
MCTP1	4.88564	1.15461	-2.08115	0.00153868
PLAU	27.333	28.9513	0.0829872	0.918043
KDM4A-AS1	0.468619	0.73872	0.656612	0.908076
LRFN4	47.7933	71.8435	0.58805	0.0253664
FAM101A,ZNF664	18.8098	21.1562	0.169597	0.75603
YIPF2	32.1767	28.0924	-0.19584	0.898682
P2RY11,PPAN,PF	48.9552	77.8857	0.669898	0.403413
CCR9	0.00765431	0	#NAME?	1
ANKRD34A	2.47307	2.83672	0.19792	0.798514
BLOC1S5,EEF1E	133.243	170.635	0.356856	0.376584
LEKR1	0.116209	0.0467914	-1.31241	1
USP1	11.0391	13.1038	0.247358	0.561661
RABEP1	9.01642	10.1179	0.166282	0.757708
SYNJ2	1.00454	1.45499	0.534474	0.177166
GADD45G	1.71869	1.49255	-0.203526	0.917927
RFPL3S	1.72719	1.34535	-0.360445	0.722089
EMR2	0.00307392	0.0019878	-0.62891	1
LOXL2	0.467587	0.506069	0.114101	0.9473
YIPF3	78.9215	61.165	-0.367712	0.269977
RAD9B	0.502198	0.253649	-0.985422	0.185432
RAP1GAP2	6.30759	5.70841	-0.144002	0.817791
UBAC2	21.7195	16.6883	-0.380156	0.25966
BZW2	97.9013	105.001	0.101009	0.889871
POMP	93.212	138.174	0.5679	0.0351856
GSK3A	50.489	75.6842	0.584022	0.0264621
SLU7	10.1801	7.77603	-0.388644	0.248913
UCN2	0.113223	0.173051	0.612028	1

MALSU1	65.3342	78.7482	0.269409	0.512107
MCFD2	25.3655	26.4578	0.0608278	0.948523
PDE7B	0.0911121	0.197422	1.11557	1
DCAF11	18.2239	12.2685	-0.570868	0.0334318
CUL1	25.3113	35.7253	0.497161	0.0784883
STAC3	0.441363	0.363661	-0.279373	0.875956
RNF20	7.11271	5.81348	-0.290998	0.480639
SRGAP2,SRGAP2	4.75877	3.7197	-0.355401	0.441125
TAF11	15.7057	20.5468	0.38763	0.266833
ATP2B1	1.77007	2.27034	0.359102	0.378445
TBP	10.1352	11.4983	0.182044	0.766393
CHAC2	5.2186	10.7983	1.04907	0.164242
STX5	29.3599	19.462	-0.593187	0.0334318
NMT1	22.9801	26.8564	0.22488	0.619482
SLC35B2	45.7274	44.9039	-0.0262204	0.978239
ZRSR2	6.60573	5.9851	-0.142341	0.859937
TAF5	2.8196	3.88791	0.463508	0.806275
PSMD11	28.916	41.7839	0.531078	0.0523053
RPL23AP7	9.24357	9.33331	0.0139397	0.994204
AMMECR1L	6.52495	6.06004	-0.106639	0.884758
POLR3F	4.51316	6.59446	0.547117	0.101539
MEGF9	1.15651	1.01572	-0.187268	0.810183
ZIK1	0.0139975	0.00382474	-1.87173	1
DDX1	33.6676	32.3903	-0.0557955	0.9491
PPP2R1B	6.82696	7.76356	0.185476	0.811435
TPP2	11.579	10.3933	-0.155846	0.783938
C20orf96	8.54113	6.18238	-0.466264	0.241597
PTS	16.0398	20.3723	0.344954	0.411453
PSMB5	264.83	329.338	0.314499	0.398652
PDCD2L	28.9097	28.9568	0.00234959	0.998382
TIMM8A	9.98796	17.5252	0.811173	0.024868
RFC2	34.6976	31.4846	-0.140191	0.816962
ANAPC7	15.5472	13.488	-0.204976	0.681631
TMEM38A	2.21455	2.25194	0.0241584	0.989716
ZHX2	2.34374	1.91145	-0.294145	0.606266
SH3BP2	7.40744	9.34988	0.335972	0.337387
TCF20	4.44005	5.42448	0.28891	0.482143
GUF1	9.19216	7.85526	-0.226745	0.633194
FRG1	35.308	26.0457	-0.438946	0.171813
ARMC7	6.86766	9.9535	0.535385	0.650386
NELFCD	43.4578	47.441	0.126519	0.843183
RHBDD2	47.9333	67.8254	0.500797	0.0738934
HSPB11	37.6042	39.8123	0.0823182	0.928548
ARFGAP2	30.0922	22.9344	-0.391881	0.376879
PKD1P1	18.2437	17.7963	-0.0358206	0.972711
TMEM214	27.5162	32.4205	0.236626	0.59512
TBC1D8	2.18513	2.18093	-0.0027731	0.999234
DNAJB6	78.6251	111.844	0.508431	0.0802776
TDG	5.16568	6.2784	0.281439	0.533687

RHOF	146.184	87.7219	-0.736775	0.0130226
LOC400657	2.84524	1.7864	-0.671495	0.0600393
GOSR2	7.25281	10.1477	0.484544	0.181543
SLC24A1	1.19874	0.530587	-1.17586	0.00478151
MDP1,NEDD8,NE	303.593	305.678	0.00987479	0.994017
SLC25A10	73.3675	81.2824	0.147801	0.806525
MMEL1	3.42759	5.68476	0.729906	0.47479
ELAC1	2.57344	1.36045	-0.919616	0.0220668
ATF7	3.23855	3.54906	0.132089	0.937886
ARAP2	0.701978	0.775911	0.144465	0.878806
BCL2L13	6.2618	3.60773	-0.795488	0.00274688
MB21D1	4.578	8.32512	0.862754	0.0103919
TGM1	0.318145	0.33497	0.0743464	1
JMY	1.71349	1.06532	-0.685642	0.0355697
CLPP	208.617	211.135	0.0173129	0.986181
SLC25A46	6.60292	6.28063	-0.0721957	0.939948
TPD52L2	112.938	108.772	-0.0542321	0.95395
KRTAP4-8	0.629679	0.591829	-0.0894361	0.974348
TAF1C	15.8062	23.5517	0.575343	0.0416082
MBNL1	6.89355	6.63657	-0.054809	0.954167
MTA2	39.5017	63.8133	0.691945	0.0111246
C1orf131	5.64744	5.55248	-0.0244656	0.994102
KIF3B	3.22409	3.77075	0.225958	0.660241
SPAG9	3.92797	3.26631	-0.26612	0.539395
FKBP2	81.8489	85.8787	0.0693362	0.938232
SLC3A1	0.00730038	0.00432031	-0.756838	1
LOC100505812	2.39619	2.05874	-0.218983	0.890806
LOC286190	0.0111739	0.0103163	-0.115208	1
ISYNA1	5.53897	4.76233	-0.217951	0.952795
TMEM184A	5.07266	6.6944	0.400213	0.473569
TSPAN9	2.50329	3.6662	0.550459	0.145359
USP21	16.4463	13.5115	-0.283572	0.515809
DUSP23	32.8891	28.4798	-0.207666	0.756508
SPTBN1	9.51063	7.37884	-0.366147	0.26469
IL10RA	0.159976	0.0385483	-2.05312	1
MRPL13	114.15	107.765	-0.0830377	0.921154
C14orf105	0.0163125	0.0272375	0.739615	1
ZMAT5	34.3566	29.3095	-0.229221	0.66979
CCDC97	17.0429	13.5378	-0.332178	0.3747
ARHGEF18	10.7217	11.639	0.118435	0.86364
TM9SF3	27.5245	23.434	-0.23211	0.606595
MLST8	82.4796	66.5921	-0.308686	0.415082
NDUFB11	140.522	138.581	-0.0200709	0.983243
TMEM116	3.6175	1.4076	-1.36175	0.00153868
PTPLAD1	34.1579	46.7894	0.453964	0.12463
UBXN1	161.635	112.551	-0.522161	0.0647668
DHX9	33.104	49.3461	0.575929	0.0370145
AKIRIN2	19.8044	13.5039	-0.552437	0.0660778
ASXL2	0.549071	0.480342	-0.192931	0.838861

BCL11A	0.909162	0.613089	-0.56844	0.392586
PCGF5	12.1896	12.4334	0.0285775	0.986782
SAPCD2	57.5763	107.602	0.902156	0.00153868
ZSWIM8	5.33178	6.17335	0.211435	0.724173
SRPK1	27.4634	29.6678	0.111388	0.870482
LINC00592	0.020695	0.0461285	1.15637	1
ACVR1	5.06311	2.87379	-0.817068	0.00739414
LOC283663	0.156927	0.362418	1.20756	1
MAPKAP1	97.3622	65.4059	-0.573942	0.0564873
GADD45A	150.761	61.7627	-1.28746	0.00153868
UQCRFS1	137.828	192.67	0.483266	0.094542
PGAP2	23.3146	15.5064	-0.588375	0.451834
ANKRD52	5.72275	11.3414	0.986812	0.00153868
UBC	588.379	480.221	-0.293046	0.482481
MVB12B	6.36594	7.53953	0.2441	0.607733
ZNHIT1	173.41	175.568	0.0178423	0.991167
PHC2	143.198	103.043	-0.474769	0.101539
ATP2A2	15.7828	24.0401	0.607084	0.0238313
SDF2L1	72.3726	141.713	0.969461	0.00153868
TMEM192	3.45825	1.79979	-0.942214	0.00153868
C9orf169	3.99073	2.69488	-0.566432	0.472341
TCEB2	543.494	619.88	0.189724	0.731582
FDX1L	33.2847	52.4752	0.656778	0.0290262
PEA15	115.237	112.451	-0.0353163	0.971528
RND3	6.37462	5.0987	-0.322208	0.455009
FAM136A	36.8455	63.8605	0.793435	0.00153868
STK10	7.99075	8.13679	0.0261299	0.978818
DHRS4-AS1	2.7238	1.7458	-0.641735	0.460741
MRFAP1	148.5	225.24	0.601003	0.0232503
SET	342.072	397.293	0.2159	0.67467
CTU1	13.8543	13.7574	-0.0101256	0.994204
CEACAM19	12.3635	9.14643	-0.434802	0.236814
CEBPD	32.4864	40.4072	0.314777	0.500687
TLCD1	13.8852	15.8843	0.194051	0.978996
NUPL2	12.6481	13.4416	0.0877862	0.916937
MTDH	29.216	34.9356	0.257942	0.541331
XPR1	2.00761	2.20468	0.135087	0.856904
NDUFB2	375.263	514.857	0.456271	0.131526
SMIM8	2.17868	2.01722	-0.1111087	0.920446
TMEM9B	17.9875	23.7718	0.402256	0.229488
MEN1	37.5329	50.4447	0.426549	0.14872
CHUK	3.55078	6.70912	0.917985	0.00153868
EFCAB2	2.16162	1.89336	-0.191167	0.869786
ITGAE	3.16791	5.00338	0.659371	0.126736
SMIM12	6.12996	8.9332	0.543298	0.0460785
E4F1	18.8561	28.0799	0.574506	0.0355697
TMA7	482.417	568.698	0.237383	0.584334
UGCG	7.45426	4.21584	-0.822244	0.0181648
DCUN1D5	5.15936	5.18257	0.00647534	0.994734

TLN2	1.09622	0.86654	-0.339199	0.485845
SIVA1	161	234.177	0.540538	0.0451232
SBNO2	16.8094	22.3685	0.412201	0.200395
CAMSAP1	8.44635	7.63938	-0.144873	0.81114
SLC20A2	6.18076	9.19901	0.573694	0.310258
VPS13D	0.909361	0.830599	-0.130702	0.867356
HNRNPUL1	61.1798	49.7002	-0.299804	0.417991
RAB7A	112.727	112.131	-0.00764521	0.994507
MRPL50	52.1822	70.4218	0.432467	0.150319
SSNA1	207.95	284.741	0.453417	0.237936
MDK	695.431	591.484	-0.233568	0.596588
LOC81691	6.39847	2.52642	-1.34063	0.00380811
HES1	24.6471	16.2339	-0.602409	0.0500215
C8orf76,ZHX1,ZH	37.9644	46.8284	0.302735	0.489185
FAM98B	4.91128	6.57563	0.42103	0.33192
REEP5	27.6885	24.7268	-0.163212	0.822512
ZACN	0.0686031	0.0122348	-2.48728	1
HACL1	13.137	8.74495	-0.587118	0.0487873
FAM64A	15.8287	17.768	0.166736	0.802771
ACP6	18.2708	9.85209	-0.891037	0.00153868
CRNKL1	5.36408	4.84958	-0.145471	0.824472
ELMOD3	3.85766	4.81349	0.319355	0.55755
ELOVL7	4.11376	3.14048	-0.389473	0.324863
KIAA1467	1.73688	1.34716	-0.366582	0.484507
TSPAN12	1.48529	2.18056	0.553958	0.231454
TFDP1	25.9194	43.7294	0.754573	0.00153868
SEC16A	17.6227	19.0798	0.114611	0.865848
RBM19	14.0189	21.9174	0.644701	0.0163491
LOC401397	81.3197	70.7134	-0.201621	0.678596
EXOSC9	19.1792	21.3375	0.153847	0.91015
CDHR3	0.039788	0.0545238	0.454554	1
IVD	18.644	19.2979	0.0497279	0.955413
NOC2L	79.8794	103.548	0.374405	0.256851
KIAA0586	0.59686	0.407773	-0.549627	0.816944
RAPGEF2	1.54319	1.14198	-0.434378	0.303067
ZNF76	10.0172	6.75251	-0.568983	0.0726643
EIF3C,EIF3CL	1.44621	1.04755	-0.465254	0.42844
FERMT1	5.45583	7.63625	0.485066	0.112663
TMEM99	10.5178	7.45528	-0.496498	0.467415
SMPD1	6.71501	3.91259	-0.779265	0.0198871
TMEM168	4.57883	4.44592	-0.0424951	0.968157
DSCR9	0.0769451	0.0620181	-0.31114	1
C10orf88	1.19595	1.09996	-0.120698	0.920063
SMC6	1.77861	1.84116	0.0498697	0.964843
HSBP1L1	81.2834	58.172	-0.482634	0.11953
SECTM1	9.2843	11.7529	0.340147	0.448693
SEMA3B	0.612015	0.230881	-1.40642	0.111341
TOM1L1	8.14978	4.26472	-0.934311	0.167899
FTSJ1	34.2465	44.3314	0.372373	0.258496

TSR1	24.558	32.8757	0.420824	0.176195
PARP2	13.6586	12.8402	-0.0891415	0.911445
LOC441155	0.133541	0.0782715	-0.770722	1
ACOT1	3.30598	2.33444	-0.501999	0.799656
UBE2L3	47.1539	67.9935	0.528021	0.0596515
MAFF	43.4222	28.3497	-0.615096	0.0318822
FANCE	15.4877	14.6643	-0.0788163	0.926965
RASSF1	20.1468	30.4909	0.597829	0.0329313
DCP2	2.06745	1.53028	-0.43406	0.20701
IRF9	2.6915	3.5999	0.419547	0.487462
MICAL3	4.47391	5.73715	0.358797	0.304772
PPAP2A	10.4035	8.01139	-0.376946	0.805817
ISG20L2	14.6658	28.4487	0.955912	0.00153868
RFWD2	9.84438	9.08691	-0.11551	0.874955
SAMD8	3.78694	3.11219	-0.283099	0.507762
DEPTOR	0.768385	0.278985	-1.46164	0.0103919
LYAR	29.5311	61.9014	1.06774	0.00153868
GNA12	8.4635	10.5919	0.323629	0.398652
MED17	10.1868	11.4566	0.169488	0.766151
TRIM68	0.912357	0.824581	-0.145937	0.902975
NAALAD2	0.0538805	0.428104	2.99013	0.00820276
PRSS54	0.821177	0.334899	-1.29397	0.405036
IGDCC4	0.194229	0.0983894	-0.981187	1
ANAPC15	21.0872	22.8426	0.115364	0.974348
HOOK2	10.5083	8.50347	-0.305405	0.513572
APOBEC2	0.0113038	0.0137752	0.285264	1
INSC	0.0292291	0	#NAME?	1
SLC39A6	22.4038	24.6067	0.135307	0.828851
FAM108A1	109.955	122.474	0.155563	0.783706
CD8A	0.117685	0.0941462	-0.321956	1
CDK2AP2	48.6991	50.8931	0.0635743	0.946416
TRMT10C	28.0159	41.7725	0.576308	0.0294837
GPR3	6.16152	9.25844	0.587482	0.0847952
DNAJB12	16.6994	16.5062	-0.0167937	0.986998
VASP	63.8506	72.2688	0.178673	0.735516
MFSD8	1.26803	1.76991	0.481092	0.273588
SLC30A4	0.0960253	0.116825	0.282865	1
NPM2	23.4004	21.8504	-0.0988738	0.906423
CEP55	12.8692	11.6783	-0.140094	0.826422
POP5	30.997	41.7993	0.431351	0.206668
RECQL5	6.98379	4.30304	-0.698652	0.020985
GNL2	33.3292	34.2304	0.0384892	0.967343
EME2	0.538858	0.59496	0.142888	0.963861
THOP1	82.2112	86.5923	0.0749041	0.926868
LINC00667	3.68718	3.00927	-0.293105	0.540762
USP11	12.8137	8.80774	-0.540842	0.0719976
ZGPAT	14.8994	26.866	0.850526	0.14872
C6orf1	47.8943	16.2249	-1.56165	0.00153868
ARHGEF1	46.2605	47.3133	0.0324651	0.975484

CD164	44.8865	46.1605	0.0403784	0.967296
LOC100505761	11.3535	9.91319	-0.195718	0.76757
PPP2CA	51.9798	60.9174	0.228902	0.61305
SATB2-AS1	0.00696666	0	#NAME?	1
ILF3	70.6323	81.5844	0.207966	0.692798
TMEM161A	54.2788	48.862	-0.151677	0.79984
LOC100130744	0.638371	0.496186	-0.363515	0.940466
TMEM209	7.45548	3.87216	-0.945162	0.00153868
SLC39A11	5.36841	4.21333	-0.349532	0.439829
NDUFB1	186.823	167.994	-0.153268	0.79183
C1orf51	0.468433	0.539066	0.202619	0.909496
GRIPAP1	12.4893	9.28514	-0.427698	0.192807
SLC10A6	0.0177392	0.00797974	-1.15252	1
WIP1	31.0424	26.507	-0.227867	0.613714
TMEM98	50.4042	40.7442	-0.306949	0.407163
NDUFAB1	15.7656	16.6452	0.0783316	0.930948
SLC16A7	0.174297	0.157767	-0.143755	1
EIF4EBP2	4.60815	4.6354	0.00850526	0.994116
FKBP1A,SDCBP2	142.249	176.524	0.311439	0.403093
STK11	22.3412	25.806	0.207998	0.681478
NDUFAB6	10.4784	17.9324	0.77514	0.00478151
PIGH	16.4908	16.708	0.0188789	0.989954
SNPH	1.43779	1.90936	0.409238	0.426228
PHF16	2.5936	2.53086	-0.0353275	0.975492
PPP2R3C	19.4703	14.6134	-0.413982	0.208603
C17orf97	7.93861	8.00137	0.0113619	0.994068
TGFBRAP1	1.59206	1.90783	0.261041	0.740552
COX14	59.7781	63.7776	0.0934327	0.905839
PIGT	69.7363	64.8732	-0.104286	0.884031
NOP2	33.5414	55.2101	0.718988	0.00153868
TMEM8A	33.9106	43.7078	0.366157	0.273785
ERLIN2	5.17095	3.51666	-0.556223	0.0609817
MRPL12	163.213	227.577	0.479599	0.0985099
SLC30A5	6.62128	8.73135	0.399096	0.550766
HDAC11	10.0185	5.20075	-0.945868	0.00153868
TESK1	25.7923	33.5553	0.379602	0.278813
MFAP3	3.12262	2.73222	-0.192683	0.756508
TLK2	4.56203	4.79902	0.0730652	0.934861
GRIK5	0.591062	0.311258	-0.925197	0.231572
STAU2-AS1	0.020625	0.0118016	-0.805409	1
MRPS11	27.7947	32.5435	0.227556	0.628907
TMED10P1	0.129247	0.163271	0.337142	1
LOC440288	2.55468	1.42826	-0.838883	0.118625
CTXN1	42.859	80.6876	0.912751	0.00153868
ENTHD2	13.9224	13.9541	0.00327461	0.998381
MAPK12	65.5371	76.4016	0.221291	0.628025
GGH	48.3451	47.4197	-0.0278827	0.977897
ADCK2	43.7333	32.2667	-0.438686	0.150143
WDHD1	2.41528	1.97045	-0.293666	0.533447

PIGL	6.01902	4.90627	-0.294904	0.668626
PES1	95.7081	121.319	0.342097	0.328749
ORMDL2	24.3304	26.0277	0.0972861	0.944479
COX19	4.47583	4.62464	0.0471862	0.964442
NCL	299.202	463.683	0.63202	0.0187307
C19orf43	311.895	412.737	0.404162	0.199834
LINC00174	1.16019	0.368872	-1.65317	0.00153868
ZKSCAN8	0.334788	0.310195	-0.110071	1
HOXD8	3.72685	2.46971	-0.593619	0.20116
TMEM241	3.16258	3.2056	0.0194915	0.987786
MMGT1	7.16389	7.59815	0.0849037	0.9183
SRP19	21.0375	31.1578	0.56663	0.413223
TUSC2	21.9713	38.4033	0.80561	0.00274688
PGLS	156.409	114.317	-0.452291	0.136653
FAM124A	0.00569232	0	#NAME?	1
ZNF429	0.703011	0.446813	-0.653876	0.303947
NFE2L3	3.81227	5.7074	0.582181	0.0596515
UBASH3B	1.88361	3.09845	0.718048	0.0163491
DRG2	30.4199	28.9791	-0.0700043	0.934861
DPM1	45.435	42.088	-0.110392	0.878944
TMC7	1.16027	0.729027	-0.670423	0.143573
ITPK1	35.7361	36.3586	0.0249113	0.979267
NUDT1	52.0011	53.8689	0.0509106	0.960032
PBRM1	1.8488	2.03412	0.137812	0.847872
ORMDL1	22.8996	25.1431	0.134842	0.86364
RSPH10B2	0.0148511	0.0261825	0.818039	1
TIMM8B	54.4515	84.3226	0.630946	0.100178
SNRPB2	47.4704	56.4274	0.249369	0.550522
ABHD16A	29.8637	21.9016	-0.447358	0.159184
RNPS1	148.402	186.481	0.329518	0.350684
LAS1L	28.3123	27.0134	-0.0677567	0.939356
CSGALNACT2	4.87139	3.06024	-0.670688	0.0304296
SYT7	3.23722	2.93211	-0.142818	0.848653
ZW10	4.88571	5.31639	0.12188	0.876392
EZR	80.4081	70.9911	-0.179702	0.736853
SNRPF	152.366	178.291	0.226693	0.614872
C12orf45	51.5039	41.8554	-0.299267	0.484634
TMTC3	1.09908	1.16074	0.078747	0.939948
GCSHP3	2.80197	2.62064	-0.0965206	0.945208
NDUFB8	293.029	272.197	-0.106392	0.881798
SRRM5	0.64575	0.736864	0.190421	0.955832
ZDHHC16	26.1201	26.3555	0.0129438	0.991759
KANSL1	6.83024	4.23131	-0.690833	0.0123712
FLVCR1	3.40482	5.54166	0.702737	0.00820276
SCO2,TYMP	79.65	121.323	0.607108	0.176426
CLDN3	1.64852	0.514351	-1.68035	0.0919662
OGFOD2	8.81766	7.99596	-0.141124	0.867658
LOC100129034	20.3409	16.6038	-0.292868	0.810183
RAB8A	29.4905	40.4803	0.456969	0.13407

TNIP2	49.9234	58.624	0.231775	0.596588
ESCO2	2.78593	4.0064	0.524149	0.130682
DAGLA	1.59912	1.68463	0.075152	0.952184
SAAL1	21.845	22.1944	0.0228948	0.981543
TP53I11	13.3853	8.43784	-0.665702	0.0163491
ZNF596	0.504587	0.185676	-1.44232	0.553572
SLC7A2	3.4178	4.61577	0.433504	0.168764
GCN1L1	16.8246	18.2857	0.120149	0.861006
FAM174A	7.77437	7.22651	-0.105427	0.91609
CRELD2	13.1918	31.518	1.25653	0.00153868
SNRNP48	4.27549	4.96703	0.216295	0.679486
SNX11	9.53739	10.699	0.165809	0.796502
TMEM216	33.8683	33.5886	-0.0119637	0.992304
NFE2L2	13.5902	12.4492	-0.126508	0.853105
TRIM26	16.0942	17.2264	0.0980793	0.894574
MRPS16	41.0227	32.6889	-0.327625	0.352552
MRRF	47.9181	43.9883	-0.123452	0.879418
SMOC1	0.00540151	0	#NAME?	1
PRODH	1.14098	0.496683	-1.19987	0.0508243
HIC1	5.44586	10.8234	0.990924	0.00380811
ZFP41	4.6529	3.84361	-0.275668	0.642898
PTGES2	185.747	238.004	0.357641	0.312032
KDM4A	7.07744	4.74288	-0.577466	0.0550104
HTR1D	0.0073692	0	#NAME?	1
YBX1	726.72	858.572	0.240538	0.606595
PPIL1	26.1702	40.6375	0.634884	0.0123712
CDK7	46.2074	29.085	-0.667848	0.00820276
DCTN5	6.63192	8.76507	0.402339	0.200752
IL4I1,NUP62	25.4554	41.6035	0.708732	0.341011
SSU72	157.503	183.104	0.217291	0.638761
C19orf10	148.374	172.807	0.21992	0.629512
ZNF219	19.5247	16.4643	-0.245958	0.62495
SDC3	5.12411	3.75214	-0.449586	0.198701
RBM12B	3.07911	3.46829	0.171713	0.78394
TIMP1	622.569	796.728	0.355853	0.332486
CDK11A,CDK11B	17.7151	20.6363	0.220198	0.764333
SNAPC4	14.8414	24.6231	0.730384	0.00153868
C11orf74	11.5408	5.72188	-1.01218	0.00274688
PSEN1	6.56975	5.10313	-0.364456	0.295146
EIF3B	85.3473	119.386	0.484213	0.0956889
MAN1A1	1.39894	1.05703	-0.404316	0.421535
YIPF4	16.3081	8.73606	-0.900535	0.00153868
PITHD1	34.9742	49.0556	0.488126	0.0959472
CLPTM1	47.3783	60.0157	0.341113	0.311521
RRP12	14.5474	26.4304	0.861441	0.00153868
SDF4	94.0714	111.463	0.244742	0.557004
NDUFB6	63.3936	68.1438	0.104245	0.883207
RNASEH2B	22.5719	20.9338	-0.108693	0.880754
HOXD-AS2	8.47514	7.19272	-0.2367	0.840956

CMYA5	0.00222332	0.00687627	1.62891	1
TRAPPC4	58.1414	75.4556	0.376062	0.249473
PITPNA-AS1	13.4202	5.89188	-1.1876	0.57283
CHMP4A	37.6993	26.8534	-0.489431	0.093011
ZNF132	0.247407	0.476966	0.946999	0.152252
PFAS	10.5391	12.7108	0.270314	0.513296
CARNS1	0.0777453	0.184785	1.24902	1
SNRPG	275.907	365.874	0.407165	0.199834
LRRC1	3.60252	3.85183	0.0965393	0.915927
TUBGCP3	3.59612	3.43057	-0.0679913	0.949
NOL6	10.8984	31.633	1.53732	0.00153868
POLRMT	43.9296	58.8194	0.421097	0.170772
ZNF346	3.54767	4.35994	0.297438	0.559351
SLC18B1	10.4905	12.0543	0.200469	0.713997
TFAM	7.2599	9.56734	0.398167	0.204028
LINC00854	0.0184275	0.0592538	1.68505	1
ATG4B	26.3614	29.5531	0.164882	0.766664
SPTLC2	7.47281	5.82236	-0.360046	0.28785
STXBP5	0.585688	0.572001	-0.0341141	0.978996
NT5C2	7.34553	5.86676	-0.324302	0.399838
DPH2	25.5144	53.3961	1.06543	0.00153868
PLEKHJ1	108.811	92.4165	-0.2356	0.592157
DVL1	87.2964	78.8794	-0.146273	0.8041
LOC388948	0.0182099	0	#NAME?	1
VAR5	70.1666	62.3629	-0.170097	0.75446
FHAD1	2.6901	1.19472	-1.17098	0.00153868
AKAP12	1.20851	0.635616	-0.927002	0.00820276
ENTPD1	1.17138	2.06729	0.819526	0.0308509
ABHD2	3.0441	2.43976	-0.319276	0.438793
NFYC	19.9583	15.482	-0.366395	0.33354
GGA1	32.2978	29.8846	-0.112034	0.874294
DCAF12	11.0673	13.0121	0.23355	0.599775
EXOSC1	31.3001	21.0716	-0.570865	0.0568637
TOP3A	4.4799	4.99698	0.15759	0.818403
TEX2	3.39063	5.31071	0.647353	0.0198871
NT5C3B	63.1922	63.2412	0.00111942	0.999234
JTB	174.922	193.323	0.144307	0.90202
TMEM185A	6.14141	6.19417	0.0123416	0.992823
BFAR	21.0464	17.0107	-0.30713	0.403093
KCNC4	4.0016	4.79072	0.259664	0.656358
DTX2	11.5566	10.8297	-0.0937265	0.917228
ETV4	70.1023	37.0072	-0.921658	0.00153868
DNAJC7	38.5297	42.9945	0.158182	0.89301
KLHL25	3.13974	5.40063	0.782484	0.0176564
GDPD3	1.18266	1.34608	0.186727	0.912292
TPBG	11.8563	11.2554	-0.0750299	0.934034
DHTKD1	3.76015	1.64999	-1.18834	0.00153868
KIAA0317	5.58736	8.14182	0.543185	0.0545989
E2F4	60.6457	93.6499	0.626872	0.00970147

WDR25	4.9253	3.17555	-0.633206	0.116553
PITX1	31.9753	49.1131	0.619153	0.0198871
MOK	11.7906	18.1969	0.626055	0.0634009
TOPBP1	6.97074	6.8011	-0.035543	0.971768
TOR1B	20.9359	24.0873	0.202293	0.684867
CHRNA7	1.55271	1.13961	-0.446245	0.450505
HMGB1	94.6891	111.556	0.236492	0.599091
DNAJB14	1.3439	1.08535	-0.308263	0.677165
NSUN2	27.2178	45.5522	0.742968	0.00274688
NR2C2	1.55774	1.45173	-0.101679	0.975484
GPS2	43.1724	48.8697	0.17883	0.743375
SPRED2	10.5363	8.75879	-0.26657	0.536281
CLDN15	13.1284	11.746	-0.160521	0.839471
COMTD1	52.4011	39.8903	-0.393561	0.335669
SERINC3	18.7205	8.82066	-1.08566	0.00153868
TAF3	2.49069	3.12578	0.327669	0.521675
RABAC1	154.74	145.018	-0.0936175	0.900642
GTF2H1	10.1972	12.1812	0.256482	0.557974
PSPN	0.63877	0.698136	0.128212	0.975492
GTF2H2	1.07162	1.13751	0.0860794	0.954143
MED22	45.2144	72.7282	0.685732	0.0259174
SLC25A39	422.037	433.196	0.0376499	0.968613
MFN2	11.008	13.795	0.325597	0.361239
TXLNG	13.868	14.8159	0.0953853	0.897332
CHST7	1.12838	1.35126	0.26005	0.836372
MERTK	0.959746	0.579901	-0.726847	0.144765
POLR2E	89.5052	97.0125	0.116199	0.879055
ARIH2	18.4734	23.4345	0.34318	0.320294
SNRNP25	31.4901	60.85	0.950358	0.00153868
TRDMT1	0.644598	0.416885	-0.628751	0.157202
C4orf46	4.60709	6.13049	0.412145	0.250712
ZNF839	5.7312	3.54809	-0.691792	0.0220668
AMD1	22.5638	36.4058	0.690159	0.00820276
FAM129C	0.190495	0.0624258	-1.60954	1
CBWD3,CBWD5	2.48533	3.18299	0.356947	0.554414
PQLC2	30.218	26.4779	-0.190621	0.730432
GLT8D2	0.19279	0.175617	-0.134597	1
KLHL18	4.63202	9.15055	0.982217	0.00153868
ICMT	12.8853	19.4775	0.596081	0.0338188
HNRNPA0	56.0598	74.4649	0.409593	0.184273
PSMC2	35.2378	39.0868	0.149557	0.790722
CIB4	0.0318271	0.0211698	-0.588249	1
DDX31	17.9287	20.5901	0.199679	0.775623
RBL1	0.565343	0.510618	-0.146883	0.906254
CHD7	1.89326	2.34916	0.311274	0.434341
PIGO	10.8569	7.00846	-0.63144	0.0308509
FAM188B,INMT	1.08334	0.63562	-0.769256	0.14961
HCAR3	0.013313	0	#NAME?	1
BLOC1S1,RDH5	122.531	105.476	-0.216236	0.657199

UBE2D2	39.4982	39.8138	0.0114801	0.992304
LXN	9.99883	4.73198	-1.07932	0.20598
APOBEC3G	0.0107175	0.0055876	-0.939669	1
KCNAB3	0.76919	0.687217	-0.162575	0.91609
ACOT9	31.0628	23.0705	-0.429136	0.161616
SLC25A14	6.74086	6.12132	-0.13909	0.870809
DKC1	47.25	70.7912	0.583255	0.0313688
TST	89.5374	81.0653	-0.143406	0.912953
DDX28	18.3931	17.6757	-0.0574022	0.967226
MKI67	9.38337	11.5404	0.29851	0.42844
SAP30BP	26.694	34.0515	0.351201	0.304126
TRAPP1	160.876	156.538	-0.0394385	0.96692
ZC3H7B	11.0449	13.3416	0.272549	0.497985
USF2	106.151	84.0428	-0.336922	0.337222
APIP	14.6517	13.3845	-0.130513	0.91609
NRBP1	60.6089	68.9188	0.185368	0.721454
LOC554223	0.0459687	0	#NAME?	1
STIM1	9.93649	7.07344	-0.490324	0.117075
MIIP	36.9025	33.1597	-0.154287	0.794882
RAI14	5.93716	7.31636	0.301353	0.441009
C19orf54	9.16574	3.21691	-1.51058	0.0308509
MYADM	48.935	31.1558	-0.651366	0.00970147
CLCN1	0.00726696	0.0086861	0.257356	1
FAM206A	21.605	18.2573	-0.242893	0.575964
NAPRT1	74.5049	49.837	-0.580119	0.0355697
POC1A	17.7165	14.0152	-0.3381	0.383479
YKT6	34.6174	63.8274	0.88268	0.00153868
EIF1AX	35.9124	49.6698	0.467887	0.107265
SLC44A2	19.7954	6.03181	-1.71451	0.00153868
TANGO2	11.5361	10.3053	-0.162769	0.797899
MEST	16.053	14.6732	-0.129657	0.887299
U2AF2	70.3555	143.773	1.03106	0.00153868
EME1	1.93854	1.25197	-0.630763	0.938348
SYMPK	21.6011	18.076	-0.257028	0.539647
TMEM179B	68.2908	49.5037	-0.464157	0.17063
UCP2	66.883	53.2671	-0.328393	0.348454
ZAR1L	0.0247454	0	#NAME?	1
NINJ1	69.553	52.9176	-0.394366	0.218676
TOMM5	118.474	230.981	0.963206	0.00153868
PLBD2	10.7994	8.65781	-0.318871	0.448465
SLC35C2	33.9297	16.5138	-1.03887	0.00153868
FAM72B	1.43899	0.817491	-0.815783	0.089127
CCAR1	7.60876	9.93179	0.384392	0.245988
FAM171B	0.202382	0.127535	-0.666188	1
NFATC1	3.35535	3.78087	0.172255	0.862406
TMEM251	26.1174	18.7113	-0.481099	0.161007
IFT27	11.19	8.39214	-0.415105	0.397065
NAA20	98.5376	116.73	0.244434	0.568837
UBQLN4	31.8564	33.4917	0.0722214	0.930948

CTDP1	12.3643	16.6795	0.431895	0.186334
ICT1	53.1984	35.4545	-0.585414	0.0388971
RAB35	25.1512	35.8925	0.513056	0.0561838
XRCC5	88.0386	84.7938	-0.0541778	0.951891
ZNF544	4.84353	5.60691	0.211146	0.704317
ZNF444	26.6526	28.7826	0.110921	0.882554
FOXK2	19.9782	22.69	0.183626	0.720363
NQO1	23.8491	25.1164	0.0746954	0.926443
CMC2	56.3661	77.2069	0.453903	0.46587
HMGNS	2.15568	2.26233	0.0696692	0.978818
CCDC51	19.4217	25.2499	0.378608	0.303364
TBC1D24	3.44501	4.9929	0.53537	0.0851513
C6orf132	4.56672	4.74064	0.053921	0.957719
LOC100129917	0.200506	0.413197	1.04319	0.399575
PLEKHA5	1.66902	0.995256	-0.745862	0.0515699
MOSPD1	3.47745	2.85279	-0.285659	0.629024
LINC00116	14.7984	15.3199	0.0499606	0.961236
ARHGAP11A	6.37771	9.52289	0.578361	0.034328
UPF2	5.40738	6.99263	0.370906	0.281393
C7orf43	10.9294	17.9458	0.71543	0.0143403
CYSTM1	99.1192	77.5344	-0.354327	0.302001
STK4	8.05975	9.03568	0.164898	0.764456
DNAJC18	2.25706	1.55813	-0.534625	0.155867
GPA33	0.0173476	0	#NAME?	1
POLD3	2.12425	2.00378	-0.0842296	0.936015
SCARNA7	20.7286	18.7909	-0.141587	0.979338
SLC35G1	2.91016	3.84798	0.403007	0.398652
NCAPG	5.8743	3.72878	-0.655712	0.0680502
MAN1A2	0.904439	0.965428	0.0941457	0.934861
WDR41	13.1888	8.30593	-0.667099	0.00970147
LRFN3	12.9082	14.1078	0.128212	0.874789
LOC286059	0.0623406	0.00997555	-2.6437	1
DPP9	16.6496	21.3542	0.359033	0.295637
ABHD12	43.8881	39.6775	-0.145509	0.903683
TUBA8	6.40692	6.71885	0.0685826	0.947883
C16orf88	7.10421	7.98896	0.169332	0.838861
SEC22B	14.4401	15.1039	0.0648421	0.944779
RBM3	79.9428	70.8364	-0.174476	0.744097
KLF16	56.0791	83.4889	0.574122	0.0280907
SEC61A2	8.96822	7.62328	-0.234409	0.967343
ORAI2	4.1388	5.96327	0.526891	0.166442
CD151	409.28	386.842	-0.0813417	0.922427
CA11	15.9026	9.03466	-0.815723	0.00572929
TRIM56	1.72732	2.30807	0.41815	0.4662
KAZN	6.52258	11.2418	0.785362	0.00153868
RAE1	31.4839	35.8918	0.18904	0.833004
NPRL3	49.6864	37.4693	-0.407141	0.581949
RRP15	1.16885	1.92182	0.717378	0.0156935
SLMAP	5.17671	4.75852	-0.121522	0.869513

PCGF6	10.7294	9.90771	-0.114951	0.879418
TRIP12	10.3388	11.8189	0.193029	0.690264
KRT18	233.126	281.62	0.272636	0.535841
AP3M1	6.97897	7.15981	0.0369067	0.971173
ZBTB48	12.269	12.1685	-0.011861	0.993208
AADAT	6.8722	7.6364	0.152121	0.824372
CSDA	153.566	161.248	0.0704177	0.933523
TLR3	0.205799	0.029686	-2.79338	1
TLR6	0.771492	0.193046	-1.99871	0.00153868
CC2D2A	3.998	2.66047	-0.587597	0.213147
GTF2H3	10.0845	8.18309	-0.301416	0.703975
TOMM20L	1.12503	0.708914	-0.666276	0.958285
PRMT3	4.85056	5.37205	0.147322	0.836427
MIF4GD	27.4803	15.2654	-0.848132	0.349308
GPATCH2	1.20555	1.08283	-0.154884	0.89536
ZNRD1-AS1	0.631893	0.407397	-0.633243	0.608991
NR2F6	122.104	175.909	0.526722	0.055778
PEX14	24.9457	21.4662	-0.216725	0.666505
KLHL5	1.648	1.23432	-0.416998	0.3005
EFR3B	0.220909	0.184266	-0.261662	1
ACRC	0.213129	0.253612	0.250898	1
LGMN	29.6499	25.5243	-0.216153	0.640772
NGRN	68.0177	79.7084	0.22882	0.604243
TRNP1	16.256	13.9075	-0.225108	0.684382
DUS1L	67.5358	92.7613	0.457871	0.123296
HN1L	21.1787	32.8851	0.634823	0.0176564
TERF1	13.377	13.9962	0.0652769	0.939323
PA2G4	138.665	170.32	0.296647	0.445041
CDC42BPA	2.58159	1.80279	-0.518032	0.0904689
SCAF4	9.10285	10.3195	0.180983	0.740167
TMEM234	5.16771	5.41615	0.0677418	0.960529
C1QTNF9B-AS1	0.18527	0.308293	0.73467	1
SURF4	163.166	238.182	0.545727	0.0525851
C6orf48	389.549	240.055	-0.698441	0.00739414
SHKBP1	84.5211	69.6406	-0.279383	0.467566
WSB2	21.0713	21.8548	0.0526702	0.954469
MREG	7.46847	12.6036	0.754957	0.00478151
GALNT10	2.09638	3.26262	0.638132	0.0388971
PINK1	20.3949	19.4321	-0.0697696	0.936071
TTN-AS1	0.132529	0.169329	0.353517	1
SNX24	13.3773	9.92263	-0.430993	0.197245
MGAT2	18.3666	21.0252	0.195033	0.704283
HIST3H2A	38.3269	17.4615	-1.13418	0.00820276
GNRHR2	5.91784	11.1204	0.910065	0.146782
UCHL3	56.8592	71.6723	0.334022	0.331994
FLVCR1-AS1	2.74494	2.25138	-0.285965	0.782703
YWHAH	69.215	85.0213	0.296738	0.415518
ACVR2A	0.779557	0.700854	-0.153539	0.954981
ADPRH	1.04598	0.647071	-0.692864	0.186315

RAB19	0.0233901	0	#NAME?	1
SNORA33	17.6132	16.4361	-0.0997913	0.993157
MTG1	36.4535	31.4431	-0.213316	0.702001
RNF5P1	0.0477833	0.0122395	-1.96496	1
PRELID1	189.156	270.96	0.518508	0.16542
SNHG1	188.199	158.814	-0.244915	0.572986
KIRREL	0.890994	0.714137	-0.319214	0.723759
OIP5	11.621	11.6712	0.00621676	0.996244
RBM28	23.2512	25.6437	0.141299	0.817992
MESTIT1	0.00987542	0.0178466	0.853734	1
GEMIN6	33.0483	44.3665	0.424895	0.207889
PMCH	1.00296	0.897726	-0.159916	0.975454
SRSF3	85.1602	108.188	0.345294	0.320865
IGSF23	0.0305147	0.0113487	-1.42697	1
C10orf82	0.0537641	0.0804205	0.58092	1
SIPA1L1	5.96955	3.98204	-0.584114	0.0451232
MICA	28.6528	39.4469	0.461237	0.126516
DNAJC30	12.5609	12.1326	-0.0500491	0.960032
C17orf51	3.12664	3.90157	0.319443	0.420832
HEXA	57.1134	36.3279	-0.65275	0.00897284
MCM6	18.4962	21.4882	0.216317	0.633246
ATXN7L3	18.1923	22.2306	0.289222	0.45332
SRSF10	29.6216	38.1754	0.365993	0.28861
SLC39A1	121.795	104.938	-0.214919	0.838861
TRIM40	0.0138927	0	#NAME?	1
RIMS4	0.00426369	0.00222842	-0.936081	1
NDUFA11	529.894	547.1	0.0461016	0.961236
MED6	20.1308	21.1997	0.0746408	0.93489
RRM2	45.8814	63.4829	0.468458	0.126915
SVIP	6.38399	7.58489	0.248669	0.674529
FAM32A	47.7485	59.2785	0.312056	0.395334
AAR2	19.8601	19.7153	-0.010554	0.993157
ADAT1	0.819322	0.683578	-0.261324	0.776837
SAE1	72.0547	82.1355	0.188913	0.710632
TTI1	6.22381	8.25042	0.406671	0.23883
FAM195B	72.2628	73.9369	0.0330423	0.974593
EXTL3	15.46	20.0867	0.377697	0.325447
METTL13	13.3002	24.9056	0.905017	0.00153868
VHL	21.7383	18.4412	-0.237306	0.586579
ZC3H15	32.1352	37.7503	0.232335	0.594138
DUS2L	13.6016	14.2385	0.0660267	0.963969
CHMP4B	70.556	73.6453	0.0618254	0.943284
NUDT19	18.8858	23.3199	0.304258	0.418773
ALDH2	73.1007	52.9091	-0.46637	0.107265
OAZ3	3.69148	3.48375	-0.0835607	0.988531
SURF2	87.104	90.4349	0.0541417	0.954469
MTRNR2L2	57.4265	39.7601	-0.530393	0.349063
SHCBP1	5.23428	5.69999	0.122968	0.872122
CLUH	37.0847	64.2439	0.792733	0.00153868

HAUS8	11.8345	13.6174	0.202451	0.742612
WBSCR27	14.4799	4.44576	-1.70355	0.00153868
LPA	0.00272924	0.00142999	-0.932494	1
TUT1	12.5184	10.319	-0.27875	0.535571
LOC100653515	0.0188929	0.0125941	-0.585096	1
COQ3	11.4632	8.97947	-0.352313	0.416386
STUB1	66.2462	82.5514	0.317455	0.667022
UBR1	1.39496	1.34687	-0.050619	0.964628
TRMT1	63.5874	76.2102	0.261243	0.528205
MRPL49	35.189	45.3894	0.367229	0.89002
C6orf47	9.2218	11.6147	0.332832	0.404384
PPFIBP1	4.77878	3.27824	-0.543723	0.068345
HSCB	24.1328	18.214	-0.40595	0.252721
RBMXL2	0.0491876	0.0316786	-0.634786	1
RNF6	14.4287	10.3357	-0.481299	0.106773
BMS1	9.57896	14.772	0.624923	0.0123712
PDCD2	43.0135	41.5955	-0.0483608	0.965831
ITGA6	2.07826	2.56098	0.301325	0.525673
AKIRIN1	20.891	23.0622	0.142652	0.810299
ANKRD35	0.00634864	0	#NAME?	1
TMEM50A	36.9801	34.7229	-0.0908591	0.902819
ERV3-1_ZNF117	0.808959	0.733105	-0.142046	0.912629
TIMM13	90.7446	129.681	0.515082	0.0576107
OGFRL1	15.2253	12.1769	-0.322324	0.421947
HMSD	4.81455	3.53226	-0.44681	0.524958
WDR76	5.79122	5.42747	-0.0935877	0.907499
LILRA2	0.0122208	0	#NAME?	1
C18orf54	1.326	1.10407	-0.264256	0.676146
TSTD1	108.7	84.7445	-0.359155	0.338257
CRX	0.00923374	0.0183592	0.991516	1
C7orf26	21.8036	31.5058	0.53105	0.0729664
TMCO4	6.1687	4.00199	-0.62425	0.0554201
CD2BP2	38.2476	43.6819	0.191666	0.691843
SNRNP200	29.3132	26.1479	-0.164852	0.765759
RP9	14.7985	15.6328	0.0791337	0.934861
SEC63	6.34943	5.13303	-0.306817	0.422315
CCT5	89.3271	139.738	0.64555	0.00970147
WDR13	39.5651	32.0286	-0.304868	0.430787
TSEN54	33.6375	51.2572	0.607686	0.0294837
MARK3	22.2282	22.8081	0.0371574	0.969911
ENDOV	9.27939	7.82417	-0.246091	0.85992
ERC1	2.7054	2.51383	-0.105957	0.893674
SCAP	28.6691	33.0446	0.204917	0.666451
LARS	36.3965	24.1066	-0.594374	0.0253664
ZNF605	1.73898	1.68636	-0.0443283	0.968178
STARD7	40.862	64.5524	0.65971	0.00970147
ARL13B	0.864341	1.01824	0.236409	0.777535
POLE2	5.42441	7.11799	0.392003	0.35293
GMEB2	6.66431	5.81739	-0.196084	0.749328

AAAS	25.5914	19.5766	-0.38653	0.237712
ELMOD2	3.25685	2.11053	-0.625873	0.0379922
BRF1	17.84	21.3379	0.2583	0.846427
RPL22L1	376.9	357.212	-0.0774035	0.92921
CCDC127	13.9514	15.6311	0.164008	0.806525
SAMD5	0.676334	0.953349	0.495268	0.299594
OR10H1	0.0385306	0.0142558	-1.43445	1
MRPL32	71.437	90.8687	0.347113	0.302537
AAMP	147.427	173.848	0.237828	0.591159
ASPRV1	0.755057	0.547968	-0.462494	0.679589
MTRF1L	8.7465	10.2351	0.226745	0.628907
TUBA1B	737.039	1120.84	0.604773	0.0374759
C17orf62	39.0129	29.2313	-0.416435	0.378436
C14orf2	411.839	423.435	0.04006	0.967343
TNFRSF1B	0.00626119	0.00331326	-0.918186	1
AGPAT2	301.87	328.255	0.120888	0.853763
PLEKHA8	2.71821	1.85936	-0.547853	0.274201
DCAF4	10.2635	11.9479	0.219244	0.687824
FAM161B	0.382315	0.225019	-0.764715	0.815365
ZMYND11	6.88707	8.00692	0.217356	0.659772
PSMD8	351.232	355.186	0.016148	0.988531
CREB3L2	3.31741	2.49421	-0.411474	0.578405
MX1	9.06046	9.20896	0.0234534	0.981441
DUSP5	123.431	90.1691	-0.453	0.127354
TIPRL	11.7103	9.1844	-0.350525	0.414412
C10orf2	23.312	32.8547	0.495027	0.0987604
MAEA	31.0914	38.3467	0.302584	0.439733
MBD2	12.647	13.15	0.0562693	0.949188
YIPF1	12.3309	11.9527	-0.0449387	0.966658
MTMR14	24.8349	22.1994	-0.161845	0.77849
POLR3D	31.7675	27.7385	-0.195658	0.699749
SNRPD1	79.8517	102.689	0.362882	0.286272
TEX10	38.6735	37.5716	-0.0417018	0.96692
GRPEL2	10.5215	6.88562	-0.611688	0.024868
TEFM	9.27832	10.4643	0.173534	0.800138
MLF2	221.513	270.611	0.288832	0.450348
PPP1CA	214.334	229.392	0.0979546	0.899998
ATG2A	13.5673	8.82501	-0.620468	0.0220668
TES	0.0258775	0.0222375	-0.218702	1
C14orf169	13.4199	15.1884	0.17859	0.777535
LOXL4	0.00573562	0.0140189	1.28935	1
C11orf24	21.1209	31.2329	0.564395	0.0456351
TM7SF3	9.8962	5.90711	-0.744421	0.00478151
RAB9B	0.165607	0.14193	-0.222577	1
STAMBPL1	5.6966	5.15081	-0.145303	0.860592
MRPL54	84.288	88.8468	0.075992	0.933369
APOPT1	25.9273	21.8768	-0.245067	0.60307
GNL1	14.9677	15.6588	0.0651152	0.944748
TIMM17A	42.9044	71.361	0.73401	0.00274688

GFOD1	1.17764	1.89981	0.689963	0.180418
ZMYND8	2.76727	1.56585	-0.821515	0.0181648
EID2	32.0687	35.7894	0.158369	0.79164
MRPL21	122.677	110.146	-0.155444	0.788938
COX6A1	715.113	702.954	-0.0247408	0.980228
MED27	57.9621	59.3087	0.0331333	0.974073
LRRC49	1.52654	0.962685	-0.665132	0.145921
ZBTB26	0.864477	0.533444	-0.696491	0.284182
FADS2	7.09158	5.16668	-0.456868	0.214151
CPSF3	26.0973	18.6426	-0.485301	0.0959472
GGACT	1.59283	0.783568	-1.02346	0.108015
SH2D4A	4.38949	6.38873	0.541475	0.0900926
LOC645249	18.0617	14.1634	-0.350766	0.484507
SCO1	21.6344	26.1287	0.272311	0.513296
ENSA	155.126	130.266	-0.251984	0.577432
CD55	20.8347	9.26065	-1.1698	0.00153868
TSMF	28.3716	32.7929	0.208936	0.666451
ATG4C	2.50614	2.22911	-0.169004	0.838953
ARF4	78.9666	101.214	0.3581	0.290507
LSR	51.9709	51.9893	0.000508769	0.999234
SCLY,UBE2F	36.5329	44.1254	0.272414	0.493457
AS3MT,C10orf32	6.02118	7.45977	0.309086	0.498357
ACOX2	1.29283	0.648685	-0.994941	0.0738934
PDE6D	11.7215	6.13084	-0.934997	0.00659556
SLC44A4	0.0558476	0.0122547	-2.18817	1
TMEM17	0.663166	0.268386	-1.30506	0.0667647
PSMC4	57.4636	92.3197	0.683991	0.00820276
POLR2G	124.909	99.6175	-0.32641	0.353259
TCOF1	29.4249	38.2913	0.37998	0.255234
RTDR1	0.0466671	0.0637263	0.449481	1
MBD3	70.4215	130.572	0.890754	0.00153868
FAM192A	18.7241	15.1042	-0.309947	0.402378
SLC25A19	26.9152	47.3997	0.816457	0.00153868
GPR180	1.98719	2.97654	0.582905	0.0512103
NDUFA3	212.451	242.814	0.192719	0.720751
FAM89B	36.5789	65.1067	0.831794	0.00153868
DNAJC11	21.6355	28.6836	0.406827	0.30062
LRRFIP1	12.2036	9.32255	-0.388505	0.245554
PMEPA1	1.01269	0.61218	-0.726164	0.133822
PSMD3	94.1809	113.285	0.266449	0.514418
HAUS5	6.41487	5.42689	-0.241293	0.632885
FBXL22	0.134918	0.196148	0.539863	1
LAMTOR1	108.031	107.957	-0.000999232	0.999234
SLC22A5	2.9979	4.10706	0.454155	0.296127
ARHGEF19	13.7137	9.0038	-0.607009	0.0388971
NFATC2IP	10.1062	9.93696	-0.0243585	0.980677
KCTD14,NDUFC2	23.9609	29.3057	0.290498	0.678167
AURKB	95.9894	110.421	0.202071	0.684533
KTI12,TXNDC12	70.6364	63.2223	-0.159979	0.785505

OSCP1	2.81587	1.80056	-0.645135	0.330706
TRMT2B	3.21668	2.25342	-0.513454	0.20647
LINC00634	0.255809	0.106366	-1.26603	1
LHX4	0.847537	1.18113	0.478821	0.812978
SMIM7	28.5084	29.159	0.032551	0.975484
HSD17B7	7.32739	6.06958	-0.271702	0.629465
SNRPD3	86.4476	99.1113	0.197223	0.693923
AVEN	7.38419	11.0426	0.580569	0.0844706
CYLD	2.3896	1.33936	-0.835228	0.00478151
NOC4L	37.6636	64.7032	0.780666	0.00274688
ACVR2B-AS1	0.617888	0.256017	-1.27111	0.562668
ZC3HAV1L	2.12575	1.59802	-0.411691	0.5622
CEP128	0.405886	0.408704	0.00998164	0.995521
FAM86DP	6.77901	4.95697	-0.451616	0.245393
SEZ6	0.00765138	0.00638374	-0.261317	1
CCT2	222.255	310.55	0.482607	0.106773
DAXX	35.4432	50.3828	0.507424	0.0726643
CCPG1,DYX1C1	4.27067	2.67213	-0.676473	0.169244
GBP4	0.0159555	0.0118356	-0.430917	1
IRAK1BP1	1.48711	0.752535	-0.982684	0.152079
GRWD1	37.6801	65.122	0.789343	0.00153868
INO80C	12.7816	19.9948	0.645551	0.0561838
GPAM	1.37725	2.27896	0.726587	0.0192959
CNNM4	3.66296	3.19127	-0.19888	0.75382
C7orf25	6.63122	4.92008	-0.430592	0.283886
TBC1D7	7.08702	6.93804	-0.0306511	0.981441
GPR89A	4.31647	5.75232	0.414291	0.322682
TSC22D4	48.0856	44.8464	-0.100614	0.886886
CCDC159	3.2203	1.89519	-0.764851	0.195143
CCDC94	20.5423	18.1626	-0.177627	0.777294
FGF1	0.0288728	0.126913	2.13606	1
SSUH2	0.095608	0.0322808	-1.56646	1
POLA2	10.5884	10.7648	0.0238416	0.981441
ANKRD42	0.444722	0.603643	0.440791	0.612746
NUDC	473.893	479.446	0.0168055	0.988114
EIF3J	18.511	26.7214	0.529613	0.125383
LOC654342	12.3402	14.875	0.26952	0.686465
KLHL2	2.59531	2.94095	0.180376	0.805521
EIF4A1,SENP3	1013.1	936.387	-0.113593	0.883857
NHLH1	0.0342046	0.139077	2.02362	1
CITED4	104.573	90.0239	-0.216133	0.677719
HJURP	17.3422	13.5106	-0.360195	0.310422
NCDN	11.9978	19.065	0.668159	0.0130226
PSIMCT-1	1.4456	1.38705	-0.059649	0.994945
NEDD4	1.83722	1.43792	-0.353546	0.433867
VENTX	0.0108505	0.0199284	0.877064	1
ZRANB2-AS1	0.0165133	0.0103876	-0.668769	1
PHB	191.32	263.786	0.463384	0.117237
C17orf64	0.0345214	0	#NAME?	1

PASK	2.33586	2.55223	0.127805	0.883608
MCIN	1.97851	3.25169	0.716774	0.135804
YIF1A	76.6184	72.7491	-0.0747623	0.93285
C20orf26	0.0249121	0.0340362	0.450225	1
NUBP1	16.852	25.5069	0.597966	0.034328
MLLT10	9.66839	9.2164	-0.0690715	0.966128
SLC7A5P2	0.402364	0.394209	-0.0295406	0.992304
SYNGR2	105.939	154.983	0.548882	0.0360613
TULP4	1.69287	1.90037	0.166811	0.80233
GLTSCR1L	0.736331	0.546212	-0.430893	0.452338
C5orf60	0.0206477	0	#NAME?	1
BMPR1A	3.19027	2.97013	-0.103153	0.907862
KIAA0513	0.762838	0.946444	0.311141	0.633194
ATP5J	175.147	198.627	0.181498	0.768633
TUBA1C	520.588	905.343	0.798321	0.00153868
IRF3	65.9751	63.5555	-0.0539035	0.967296
SLC25A51	3.41455	3.78435	0.148352	0.897332
MSRB1	27.1556	39.6388	0.545663	0.0630011
SYTL3	0.753716	0.204159	-1.88433	0.00659556
MRPS22	45.7566	32.9569	-0.473402	0.0959472
ZNF513	10.8588	12.8898	0.24737	0.925922
MESDC2	8.20447	11.168	0.444895	0.155896
PDZD8	2.00259	2.22229	0.150179	0.863831
PIP4K2C	11.8438	15.7329	0.409652	0.211369
C22orf46	1.89786	1.43324	-0.405088	0.347897
RAC2	10.5915	4.87439	-1.11962	0.00153868
ANAPC4	6.21125	6.90139	0.152002	0.821796
MAGEF1	39.0634	46.3432	0.24654	0.571151
ACOT11	0.277065	0.128771	-1.10541	1
MAT2B	21.5211	19.7966	-0.120501	0.855996
LOC100129148	2.14206	2.35018	0.133772	0.992072
SCYL1	45.2309	53.9111	0.253273	0.616881
MRPS23	43.19	50.0836	0.21364	0.648844
TMEM200B	6.66515	6.05779	-0.137845	0.930356
FAM83A	0.0407623	0.0779349	0.935036	1
NOTUM	5.44405	1.78912	-1.60543	0.00153868
ESRRA	67.4838	71.149	0.0763035	0.96513
NABP2	59.6089	49.4072	-0.270804	0.504902
AGMAT	8.91068	8.3055	-0.10147	0.938335
BPGM	4.22198	5.6172	0.411934	0.354806
HECTD3	11.3996	14.078	0.304459	0.435778
RBMX	170.976	87.6363	-0.964197	0.00153868
DDOST	183.91	156.132	-0.236232	0.60307
PDCD5	206.103	254.887	0.306491	0.400494
TSPO	482.387	456.202	-0.0805182	0.9183
STK11IP	2.59859	2.65128	0.028961	0.981963
C12orf10	50.0436	43.2408	-0.210794	0.674529
DAPK1	2.93716	2.55108	-0.203318	0.740073
HIGD1A	17.0738	20.0949	0.235042	0.59463

NFKBID	2.6053	4.14848	0.671135	0.152514
ASNA1	108.521	124.146	0.194062	0.699003
SLC38A8	0.0572161	0.090026	0.653921	1
NOP56	83.9481	147.212	0.810323	0.00153868
EXOSC3	20.8549	29.8891	0.519232	0.0719976
MRPS12	137.687	221.999	0.689159	0.0163491
CPSF4	71.1511	58.8237	-0.274489	0.870063
ZNF296	25.0639	49.9095	0.993702	0.00153868
VPS37B	52.7465	50.1056	-0.0741028	0.927002
DAB2IP	6.92678	8.64717	0.320042	0.409203
RELL1	6.43763	5.59134	-0.203337	0.705198
PIGC	12.5874	9.22416	-0.448495	0.20739
DERL1	33.0901	35.7792	0.112721	0.869722
MAPKAPK3	80.23	65.8366	-0.285253	0.469232
PARN	10.9313	7.92288	-0.464371	0.148853
ZFP69	1.91563	2.48947	0.378017	0.504261
PSMC5	99.5562	113.208	0.185397	0.801516
NIPAL3	7.42528	3.10039	-1.26	0.00153868
RPS2P32	0.0450878	0.041246	-0.128483	1
DGKE	2.24454	3.07439	0.45388	0.19024
MRPL55	78.7471	103.768	0.398067	0.260553
MAP3K10	10.0811	6.63238	-0.604059	0.0676413
RCC1	123.578	128.487	0.0562104	0.951347
CNOT10	15.4019	11.7064	-0.395808	0.233577
SH3RF3	1.02	1.13233	0.150733	0.885082
CYBA	424.089	441.201	0.0570702	0.947567
TIMM50	61.4701	61.62	0.00351408	0.997552
LINC00319	0.013922	0	#NAME?	1
CA13	5.18291	5.63888	0.121646	0.87179
BROX	1.20976	0.833614	-0.537264	0.440962
TMUB1	154.084	169.133	0.134442	0.831973
PTP4A2	51.2692	46.8171	-0.131056	0.836427
TMEM249	1.61619	2.40024	0.570587	0.53682
KLHL22	8.69322	6.26194	-0.473281	0.211369
TIMM17B	122.472	99.9582	-0.293056	0.685086
CCDC134	4.6968	5.22996	0.15512	0.878044
ADAP1	21.5703	23.453	0.12073	0.862353
NACAD	0.00509958	0	#NAME?	1
FOXD2	1.84745	1.31484	-0.490647	0.390823
WDR18	97.9923	105.721	0.109519	0.875956
SNHG10	6.65497	10.578	0.668568	0.0763878
FASTKD5_UBOX5	12.6889	14.4776	0.190256	0.72175
POLR2F	40.5146	65.3498	0.689741	0.00820276
CENPK	2.96305	2.86185	-0.0501357	0.971768
ERCC4	0.709807	0.725819	0.0321824	0.981441
TRIM62	3.39794	3.4176	0.00831933	0.994734
MRPL51	233.681	277.894	0.249993	0.547882
TMEM222	39.3428	50.3042	0.35458	0.304421
TUFM	368.741	323.761	-0.18768	0.718323

P4HTM	18.8094	9.1378	-1.04153	0.00153868
HDHD1	15.3552	16.619	0.114107	0.874024
TRAPPC5	238.087	247.499	0.0559371	0.952184
CD70	0.0381781	0	#NAME?	1
HIVEP3	0.253883	0.371975	0.551043	0.427905
MED10	58.4478	70.7042	0.274646	0.489185
MCRS1	35.1127	44.5502	0.343437	0.330706
DOLK	21.1956	21.7588	0.0378362	0.991446
LRRC16A	1.71751	1.16428	-0.560871	0.151906
BRIX1	38.0011	56.9633	0.583992	0.0276283
AGAP5	0.792491	0.598572	-0.40487	0.631444
NAA10	157.034	182.742	0.218734	0.632946
LMTK3	0.615549	0.34441	-0.837749	0.243499
WDFY2	4.4437	3.71676	-0.257716	0.624445
ZNF32-AS1	21.3901	17.9732	-0.2511	0.902819
SNRK	0.541784	0.529802	-0.0322634	0.985712
PLAT	0.911735	0.474101	-0.94342	0.0854415
IPO13	6.51416	8.12221	0.318294	0.437751
EGFL7	223.95	189.699	-0.239465	0.579133
ATP13A1	26.3767	27.0324	0.0354245	0.970185
DDX56	43.6879	69.3435	0.666526	0.0111246
NKX2-5	26.54	29.7207	0.163298	0.809368
TMEM140	0.698813	0.814067	0.220241	0.965152
LINC00176	0.455407	0.370593	-0.297319	0.782998
ZNF213	9.56945	7.51959	-0.347782	0.425393
C8G	0.384411	0.452279	0.234565	0.945399
C19orf47	9.10361	14.7567	0.69686	0.40127
PRKAB2	3.37294	1.75611	-0.941626	0.00274688
SH3D19	4.14757	2.02502	-1.03433	0.00153868
FH	57.3715	58.9187	0.0383919	0.968919
NACC2	9.24199	13.9124	0.590093	0.0243026
PRSS57	0.138307	0.10687	-0.372024	1
RAB3IP	3.66515	2.8069	-0.384894	0.249473
TNFRSF21	3.91831	7.04501	0.846368	0.00274688
C1orf53	2.23712	3.70741	0.728768	0.349218
GALE	100.471	58.0417	-0.79162	0.00153868
TRIM14	12.1259	15.7976	0.381614	0.673917
KIAA1377	0.100027	0.0461762	-1.11517	1
DNAJC1	7.70123	5.58149	-0.464438	0.217777
ATG13	12.4553	7.59678	-0.713295	0.00274688
LYRM1	15.5637	9.15178	-0.76606	0.0334318
GNB3	2.17254	3.31446	0.609391	0.217005
LACE1	1.11088	0.340906	-1.70425	0.00274688
PRRG1	2.24772	2.50656	0.157245	0.879376
BATF3	28.1445	57.3322	1.02649	0.00153868
SEPHS1	24.9397	31.3415	0.329627	0.349063
EWSR1	123.784	153.511	0.31052	0.403413
TNFRSF11A	0.934517	0.562747	-0.731734	0.145921
TXNDC11	9.29975	9.70345	0.0613052	0.964843

GPR108	42.0502	32.2411	-0.383211	0.242582
TBC1D20	12.4377	9.49264	-0.389835	0.234549
ACER3	1.30849	1.64334	0.328736	0.558921
ZNF460	0.421121	0.266207	-0.661687	0.348481
PIGK	3.47953	2.25963	-0.622807	0.0438785
TMEM19	2.90534	2.51747	-0.206733	0.736949
GINS1	7.93022	10.7978	0.445309	0.157202
FAM225B	0.427497	0.254183	-0.750048	0.211701
C1RL	5.54179	1.87361	-1.56453	0.00153868
ABHD3	4.87879	6.7283	0.463719	0.212956
ADAM17	3.80403	2.58947	-0.554869	0.103973
SH3KBP1	6.61564	4.96953	-0.412771	0.229488
ITPA	84.7912	87.3693	0.0432109	0.965468
EIF4G2	113.762	126.303	0.150873	0.808127
NOL10	7.39904	11.382	0.621351	0.0226901
CLN3	26.7879	32.6042	0.28348	0.490815
AGPAT6	17.2263	20.2024	0.229912	0.611267
ZNF497	2.0932	1.27347	-0.716943	0.145921
MPP7	0.157353	0.124873	-0.333536	1
KIAA1279	6.92379	6.91889	-0.00102168	0.999234
SMOX	20.9355	16.7995	-0.317535	0.432815
ACOT7	120.999	146.258	0.273512	0.500058
EXOSC6	31.775	45.9304	0.531554	0.0813147
NELFE	87.164	76.4918	-0.188427	0.757708
STX18	17.4681	13.0067	-0.425473	0.181992
PSMA5	34.307	39.0425	0.186543	0.722195
LOC100506054	7.76918	7.1515	-0.119517	0.908026
RRP7A	29.3104	48.6929	0.732296	0.00380811
CKS1B	177.016	155.77	-0.184466	0.72151
KIF26B	0.287108	0.41331	0.525628	0.495095
CENPN	19.584	20.1054	0.037912	0.98206
FLJ35946	0.292889	0.358105	0.29003	1
WDR61	29.5134	34.1899	0.2122	0.667022
C17orf80	3.24614	3.70399	0.190351	0.765267
WIZ	18.2738	20.2188	0.14592	0.802089
SLC10A3	34.0655	38.4976	0.176458	0.74716
NDUFA13	647.49	630.311	-0.0387937	0.968154
DPP3	17.5622	17.5059	-0.0046324	0.996765
HS2ST1	4.41142	4.13757	-0.0924603	0.933651
P2RX5,TAX1BP3	106.232	167.983	0.661103	0.0817425
GAR1	54.1954	80.2638	0.56658	0.0410754
NAA40	5.34666	7.65732	0.518201	0.114535
ABHD11	20.1187	23.4252	0.219523	0.684018
ATP6V0A1	11.5601	12.8047	0.14753	0.808394
LUC7L3	21.5547	42.7716	0.988654	0.00153868
HERC6	3.13011	1.974	-0.665092	0.0410754
DDX27	13.7565	15.4053	0.163313	0.779141
SAMM50	25.6233	25.9657	0.0191525	0.984084
ERCC6L2	0.446218	0.438597	-0.0248508	0.993173

NUP107	17.2612	15.4168	-0.163027	0.773721
ZBTB7A	9.49658	9.18677	-0.0478497	0.962045
SPAG1	4.46122	4.52352	0.0200081	0.984547
LOC100289092	8.09133	5.75535	-0.491474	0.907996
FANCI	7.10603	5.43335	-0.387202	0.633194
MTSS1	2.10294	2.21847	0.0771551	0.94188
NDUFAF2	114.145	121.786	0.0934759	0.899621
LRRC59	48.8403	99.5765	1.02773	0.00153868
SLC35D2	28.7339	19.3511	-0.570342	0.0471668
ACAT2	12.8553	17.1289	0.414067	0.891698
AP3D1	17.2403	15.4927	-0.154192	0.789544
ENTPD6	37.9645	35.0722	-0.114321	0.865047
SPEF1	0.211577	0.294412	0.476654	1
LIMK1	21.2639	15.6569	-0.441613	0.147823
RQCD1	20.7753	29.7722	0.519099	0.0723025
MCCC2	25.2703	22.5919	-0.161637	0.773721
PRR14	30.4134	31.1668	0.0353031	0.971663
TRAF4	22.2527	29.7271	0.417802	0.18082
RBM42	65.7382	79.2909	0.270421	0.499979
AGER	1.94115	1.77579	-0.128453	0.920415
SEC61A1	89.6738	116.219	0.374086	0.26132
RCBTB1	5.04537	4.85885	-0.0543453	0.954981
SETD5-AS1	4.12533	3.86582	-0.0937342	0.930559
UCN	2.91017	2.31288	-0.331415	0.851733
SRXN1	48.9105	54.0162	0.143249	0.814274
WDR73	13.1811	16.7967	0.349703	0.343762
TOP1	22.0118	26.3441	0.259203	0.533447
SF1	91.6094	94.968	0.0519461	0.955904
RTKN	21.6642	32.7057	0.594232	0.024868
POLR3K	40.7925	95.3834	1.22543	0.00153868
RUSC1-AS1	10.0647	13.7909	0.45441	0.900465
FSD1	0.0142983	0	#NAME?	1
C11orf82	2.07352	3.52688	0.766315	0.0143403
WDR7	0.752148	1.03572	0.461542	0.305777
NAA60	23.4864	24.7246	0.0741231	0.933369
EDC3	11.2836	12.7904	0.180829	0.736305
NDUFB10	138.734	157.236	0.180613	0.727839
EDEM2	11.3192	9.12812	-0.310385	0.486348
TMEM259	83.7826	96.6917	0.206742	0.663419
WDR38	0.0215474	0.0140845	-0.613411	1
C12orf60	1.35727	1.25568	-0.112239	0.945689
ACTR3C	0.76939	0.888813	0.208165	0.988761
RUSC1	30.7214	43.2343	0.492932	0.548453
C9orf72	4.60548	1.9876	-1.21233	0.00153868
HOTAIRM1	17.184	15.7049	-0.129847	0.881798
CALCOCO2	14.6689	6.19758	-1.24298	0.00153868
BCL2L2,BCL2L2-f	140.971	165.661	0.232829	0.617928
PRRT4	14.8347	8.77822	-0.756975	0.00970147
SLC26A11	7.40671	6.69754	-0.145203	0.858227

UCHL5	12.6075	14.9781	0.248563	0.734639
DBF4B	6.50914	10.153	0.641372	0.0313688
TBL1X	5.56302	3.48568	-0.674427	0.0130226
SDHAF1	35.005	43.8287	0.324314	0.421289
M6PR	79.2605	64.1076	-0.306107	0.462278
METTL3	13.6917	23.3941	0.772844	0.117359
C1QTNF1	14.5241	12.5106	-0.215294	0.684216
MESDC1	19.0664	24.7284	0.37514	0.295146
DISP1	0.226396	0.145005	-0.642746	1
SNCAIP	0.541458	0.0782359	-2.79095	0.0123712
FXR2	50.8984	50.3292	-0.0162267	0.991175
SLC25A13	5.2879	7.18806	0.442906	0.191052
SAFB	40.1324	56.2009	0.485826	0.0913904
HLCS	3.62654	2.77017	-0.388617	0.284182
PGF	16.3876	21.5215	0.393171	0.305306
RAD1	4.91719	5.62565	0.194187	0.723334
MTMR2	7.24283	6.91649	-0.0665134	0.939948
CDRT15P1	0.324633	0.596846	0.878547	0.455427
SMG9	42.5504	35.1479	-0.275734	0.489185
SLC2A5	0.0200047	0.0125132	-0.67689	1
HOXB7	24.5022	20.5319	-0.255048	0.579942
IKZF2	0.0458268	0.012342	-1.89261	1
NEURL	6.96439	3.32851	-1.06512	0.00153868
KIF23	11.2267	10.9383	-0.0375433	0.969077
SWI5	41.6842	27.7549	-0.586759	0.0464744
LOC152225	10.6942	5.92644	-0.851593	0.00274688
DNLZ	102.672	187.488	0.868748	0.00153868
SLC23A3	0.607191	0.533462	-0.186766	0.907121
YARS2	37.3369	35.6091	-0.0683534	0.937373
HIP1R	16.8965	14.6492	-0.205899	0.678853
B4GALT1	9.99244	8.60531	-0.21561	0.667022
EGFL8.PPT2	44.0931	37.769	-0.22335	0.817528
HIST1H3E	0.268297	0.70071	1.38499	0.638004
KATNB1	42.9452	37.5506	-0.193662	0.704317
PPP1R9A	1.67357	1.0114	-0.72657	0.0156935
EMG1	39.9272	54.6868	0.453821	0.137794
FXD1	1.18186	0.886977	-0.414085	0.817192
DNAJC14	11.6163	10.4995	-0.145823	0.896541
TSPAN17	29.8513	33.851	0.181406	0.736853
CENPH	27.8586	17.0104	-0.711709	0.00572929
AUP1	193.723	214.82	0.149132	0.84864
TRIM44	5.71553	5.96935	0.062686	0.946375
YAE1D1	13.0872	12.5601	-0.0593125	0.958982
RNF121	10.0518	12.4864	0.312901	0.441656
TM9SF2	17.7817	17.0221	-0.0629848	0.943555
PIGU	20.0678	16.3346	-0.296946	0.480536
NVL	6.9558	7.78128	0.161791	0.797188
NOLC1	28.5618	43.456	0.605468	0.0169799
SP140L	4.79849	4.98405	0.0547374	0.958829

CDCA4	41.4974	34.3683	-0.271942	0.491486
MATN4	0.124812	0.0510881	-1.28869	1
NUDT5	119.468	120.006	0.00647489	0.997726
MAT2A	34.4366	80.1016	1.21789	0.00153868
PRMT1	336.16	470.137	0.483933	0.0962745
TMEM208	87.0432	110.768	0.34774	0.321291
NOSIP	82.7407	88.9868	0.104994	0.884031
TEX261	32.7639	32.6035	-0.0070808	0.994593
TGS1	8.79813	8.45904	-0.0567043	0.961236
MAPKAPK5	13.5526	12.0667	-0.167544	0.838891
MAFG-AS1	6.67785	7.82063	0.227901	0.739914
PTBP3	14.4449	14.3478	-0.00973569	0.994204
DHCR24	47.2316	83.8374	0.827842	0.00153868
ATAD3A	63.1195	90.315	0.516881	0.0545989
C11orf48	60.0806	101.195	0.752165	0.0215444
MRP63	31.5287	35.0215	0.151573	0.870275
TRIP4	7.36266	6.64185	-0.148641	0.838532
C9orf40	11.6313	12.6509	0.121228	0.868033
LSG1	8.29291	15.0276	0.857668	0.00153868
PI4KA	14.2084	12.7106	-0.160708	0.791608
POR	50.2048	60.0125	0.257439	0.619728
AP1B1	26.8179	27.5522	0.0389711	0.967978
UBE2MP1	3.97295	4.48954	0.176358	0.876392
RASSF8	0.138959	0.0883615	-0.653174	1
EIF2S1	22.4917	27.0817	0.267921	0.514213
LOC100335030	0.275659	0.257096	-0.100573	1
SPIRE2	9.27318	9.19688	-0.01192	0.992304
TTL	11.6633	11.9603	0.0362783	0.970421
ADCY3	18.7737	20.4513	0.123478	0.891476
SETD8	21.2114	21.3914	0.0121923	0.991446
CMSS1	40.8856	37.8826	-0.110056	0.890806
C7orf13	0.991058	0.987597	-0.00504781	0.997773
PIK3AP1	2.16465	2.37708	0.135053	0.869722
WDR46	44.7809	72.5219	0.695532	0.00572929
FLVCR2	0.998422	0.739525	-0.43305	0.538451
HSPA5	223.818	232.114	0.0525121	0.958439
LOC100507053	0.0469607	0.0255512	-0.878061	1
TFB2M	18.7317	26.2281	0.485632	0.100739
SP110	1.89177	2.10147	0.151662	0.881798
SLC4A11	13.2522	16.7803	0.340537	0.362943
LOC100507266	0.208847	0.184919	-0.175559	1
FIS1	234.376	245.385	0.0662232	0.937886
IDI2	9.70313	13.7449	0.502379	0.642802
FAM84B	6.52852	3.74739	-0.800869	0.00153868
MRPL46	29.6211	30.6137	0.0475541	0.964843
NCEH1	2.28192	2.16129	-0.0783503	0.940493
C2orf81	5.69778	2.12693	-1.42163	0.00153868
PDAP1	111.848	127.053	0.183885	0.804694
HDAC8	10.9027	8.5716	-0.347048	0.48689

GAK	21.2137	24.8659	0.229173	0.604499
TIMM10	64.8931	98.4106	0.600749	0.0347593
CSNK2A1	45.4614	29.7477	-0.611866	0.0215444
KCND1	0.37227	0.178587	-1.05973	1
ISCU	68.9726	60.1812	-0.196709	0.696867
VWA8	2.39118	1.93625	-0.304461	0.66669
LOC728558	0.0224156	0.0259514	0.211311	1
SLC35E4	12.4527	18.5468	0.574711	0.0564873
PSMB8	79.2202	58.5178	-0.436993	0.411641
FOXRED1	30.096	20.6477	-0.543586	0.0634008
XRCC6BP1	5.85028	5.16795	-0.178913	0.83652
NFIX	9.94987	10.8324	0.122608	0.853468
SLC6A13	0.645017	0.207777	-1.6343	0.0471668
OAZ1	1016.5	1190.91	0.22846	0.633194
FAM120C	3.65448	2.78813	-0.390368	0.723759
FAR1	7.3469	8.68799	0.241886	0.599713
MCM2	37.3409	35.5497	-0.0709185	0.935025
LEPREL4	26.8851	30.4881	0.181438	0.73154
ETV1	0.607692	0.0890205	-2.77113	0.00153868
CD63	714.113	609.43	-0.228691	0.623489
PAPSS2	0.198386	0.10908	-0.862931	1
DGKI	2.41989	0.869874	-1.47607	0.00153868
CDK17	12.2161	9.28238	-0.39622	0.216818
NACC1	38.1398	55.1189	0.531249	0.0508243
DNAJB13	0.0770051	0.0301	-1.35519	1
HAUS7	20.2568	26.3073	0.377059	0.311633
FTH1P3	0.207078	0.221786	0.0989937	1
DPH3	4.0353	6.47319	0.681802	0.00659556
ACSF3	5.74628	4.71724	-0.284683	0.594419
AP1M1	21.1151	19.0234	-0.150498	0.809131
SPRN	2.85193	3.77284	0.403714	0.810769
IGFBP2	48.0465	54.2571	0.175383	0.755018
RPAIN	45.552	23.7265	-0.941017	0.624185
ASF1B	38.6747	38.8646	0.00706454	0.994593
GLA	21.568	31.0272	0.524645	0.90409
PTDSS1	107.825	165.983	0.622344	0.020985
CD47	7.6898	6.59744	-0.221039	0.640772
TNPO2	15.9782	28.4324	0.831434	0.00153868
TRIP13	8.63177	14.0315	0.700939	0.0103919
ORAI1	39.3256	45.0859	0.197207	0.716687
LRP10	48.6916	38.4578	-0.340396	0.325113
CWF19L1	12.706	10.8937	-0.222011	0.641019
BCL9L	6.40182	6.50833	0.0238052	0.981441
STIL	3.86716	3.50482	-0.141935	0.839812
BCL7B	49.0103	49.2512	0.00707389	0.994593
EIF4G1	45.9658	67.2342	0.548635	0.0410754
CBWD6	3.88031	4.24606	0.129956	0.882554
LRP3	39.5722	45.9116	0.214373	0.639922
ST5	1.79637	1.78265	-0.0110594	0.994593

THSD1	1.04429	1.05987	0.0213615	0.991167
NDUFA12	110.786	107.067	-0.0492654	0.958829
AK1	61.7909	72.8643	0.237817	0.58485
MTRNR2L8	41.8486	30.68	-0.44788	0.141482
WDR4	10.6381	19.63	0.88381	0.00274688
AURKAIP1	270.277	364.341	0.430851	0.164827
TPX2	37.4949	28.731	-0.384085	0.247848
ZNF587B	2.88025	2.79804	-0.0417742	0.971528
PPP1R9B	18.4283	28.8196	0.645132	0.0123712
TUBB2B	1.12396	2.17711	0.953821	0.0617671
FAM41C	0.494353	0.368002	-0.425825	0.73334
TRMT61A	14.909	30.9006	1.05145	0.00153868
FUT8	2.55124	2.57885	0.015526	0.991184
MFSD11	3.81987	5.04311	0.400792	0.911075
PLAC8	0.156983	0.0813734	-0.947981	1
NDUFB3	72.3146	65.05	-0.152738	0.796533
SEC23B	13.0828	12.0742	-0.115745	0.864901
GGCT	47.9093	46.9919	-0.0278916	0.977897
KIAA1549	1.43521	1.61174	0.167356	0.797188
COX8A	968.94	931.989	-0.0560943	0.950251
SRBD1	1.44077	0.807026	-0.836155	0.0365493
WDR77	16.7718	47.1935	1.49255	0.0294837
CALU	32.0539	30.3632	-0.078177	0.922274
METTL12	5.58947	4.73265	-0.240063	0.961459
CAPN10	13.4576	21.2931	0.661962	0.0226901
RABGEF1	5.8462	4.75593	-0.297771	0.686633
DSTNP2	3.29536	2.66396	-0.306862	0.708483
GALNT1	5.54013	7.3324	0.404365	0.229368
TMEM194B	13.5751	6.65814	-1.02777	0.00153868
MEIS2	2.87874	2.49326	-0.207405	0.77663
TRIP11	1.08874	0.940417	-0.211282	0.759934
ECHDC1	24.3615	29.04	0.253441	0.554334
RMDN3	18.5809	18.5276	-0.00414845	0.997224
WDR67	2.54204	1.73893	-0.547788	0.14961
ANKRD44	0.518467	0.386531	-0.42367	0.562754
PSMB9	19.193	12.2751	-0.644845	0.0545989
ABHD16B	16.047	34.7904	1.11638	0.00153868
FAM98A	13.6667	28.5963	1.06516	0.00153868
GABPB2	1.25424	0.682333	-0.878266	0.105057
NCF1	0.0237431	0.0467906	0.978713	1
GPR63	1.00432	1.7708	0.818177	0.00820276
NGDN	26.3238	31.7976	0.27255	0.521982
SUMF1	9.65898	6.42311	-0.588599	0.0729664
NAV3	8.41042	6.21996	-0.435272	0.165129
TMEM109	33.9415	55.1349	0.699914	0.00659556
IRF2BP1	21.457	28.3919	0.404026	0.260553
TFR2	20.6675	20.6434	-0.00168008	0.998991
EIF2S3	113.718	100.003	-0.185415	0.726595
NDUFB2-AS1	1.63369	1.55705	-0.0693201	0.978847

CXXC1	23.6692	27.8623	0.2353	0.600462
PTPRE	1.2159	0.974124	-0.319841	0.600118
ANXA7	29.7834	24.5019	-0.281615	0.469486
OR2A7	0.884278	0.588882	-0.586522	0.663419
EXT2	22.467	20.6826	-0.119392	0.861774
SNX19	2.47013	2.37653	-0.0557315	0.957719
DNAJC21	3.82327	3.33297	-0.197999	0.717262
CYB561D2	39.4576	51.2741	0.377926	0.552302
GALNT7	4.17951	3.77418	-0.14717	0.828968
SMPD3	0.380381	0.283794	-0.422603	0.677754
DET1	3.36265	1.63273	-1.04232	0.00572929
FUCA2	50.0615	40.9397	-0.290201	0.447305
AIFM3	0.929523	0.257781	-1.85034	0.00380811
KPNA4	9.50567	11.7156	0.301572	0.431094
HIPK3	0.37374	0.463029	0.309068	0.732443
SUMO3	36.4756	38.3239	0.0713139	0.934043
RPS6KC1	1.4785	1.52043	0.0403493	0.975492
TCEB1	68.3742	85.7583	0.326824	0.350415
PSMA3	90.4756	125.216	0.468818	0.200956
LRRIQ3	0.150291	0.063454	-1.24398	1
CSNK2B	268.338	238.797	-0.168267	0.798855
TMEM70	36.9488	54.7198	0.566535	0.0347593
C12orf5	3.09874	4.65748	0.587869	0.0410754
PUS1	44.025	81.3555	0.885915	0.00153868
SPINT1	51.0524	49.2704	-0.0512585	0.954501
ZBTB7B	11.0239	14.6145	0.406766	0.23883
FIZ1	7.37541	9.06837	0.298121	0.558062
ALG6	2.645	2.90583	0.135686	0.872122
BAZ1A	5.176	7.28331	0.492757	0.0997561
N4BP2L1	0.497435	0.137773	-1.85221	0.00970147
UHRF1	19.2352	39.52	1.03883	0.00153868
ARPC4,ARPC4-T	134.06	152.237	0.183445	0.817355
EXOSC4	137.372	227.748	0.729347	0.00153868
MAPRE1	30.6677	36.7266	0.260103	0.524921
PPID	30.3622	48.726	0.682418	0.00739414
ANKRD31	0.0714648	0.0233634	-1.61298	1
UFD1L	29.1764	39.1729	0.425052	0.170772
SLC26A2	1.75415	1.60818	-0.125343	0.874107
H2AFY	80.9397	87.6371	0.114695	0.86835
HOXB-AS5	2.29453	1.3397	-0.776287	0.466805
HMG2	213.077	199.12	-0.0977381	0.898467
SLIRP	346.018	475.801	0.459511	0.118427
NDUFAB1	207.12	238.082	0.200989	0.680748
VMA21	13.4048	17.8747	0.415165	0.177708
FAM86B2	1.56984	0.74009	-1.08484	0.116756
HYLS1	3.47988	3.6627	0.0738698	0.974348
DES1	24.1269	28.8422	0.257538	0.522427
SUMO1	75.4354	67.0863	-0.169223	0.764456
GPD2	4.37648	3.65	-0.261875	0.566213

B4GALT5	12.2894	18.1857	0.565384	0.038486
MT1M	226.001	262.984	0.218646	0.643229
C1QBP	391.294	468.716	0.260461	0.628907
TBC1D2	10.174	9.32904	-0.125093	0.876392
EIF2B3	6.97275	10.9672	0.653392	0.0313688
PLAGL2	5.14232	6.38849	0.313054	0.431845
MICB	8.15497	14.3937	0.819685	0.00153868
LOC100133091	4.55658	5.80374	0.349031	0.675176
ACTR1A	34.3206	49.1909	0.519316	0.0680503
C20orf144	0.0861723	0	#NAME?	1
WDR62	6.17813	6.80477	0.139375	0.838244
TSSC1	16.8402	12.805	-0.3952	0.278484
DYNC1H1	30.0813	18.4603	-0.704442	0.00659556
NOP58	50.6536	69.7064	0.460627	0.111557
ZNF593	170.081	285.943	0.749507	0.00478151
EIF5A2	1.37244	2.20315	0.682822	0.0438785
TRIM27	39.249	41.1454	0.0680783	0.93571
PSMC3	91.5032	109.772	0.262612	0.529456
IFT43	43.2569	24.6481	-0.811452	0.00739414
GRIN1	0.0899142	0.151213	0.749964	1
FAM96B	188.997	185.949	-0.0234572	0.981441
SLC16A9	3.87797	3.46049	-0.164325	0.809839
MAX	44.5674	54.6713	0.294795	0.724492
PPM1G	128.039	140.828	0.137343	0.820487
QSOX1	59.6641	51.7955	-0.204039	0.708849
HM13	141.348	148.183	0.0681332	0.938489
LOC100287042	0.278968	0.365479	0.38969	1
MPP6	3.77222	5.20437	0.46431	0.231572
NDUFS1	12.4586	9.42552	-0.402497	0.216818
RAN	460.864	563.672	0.290514	0.465909
SRSF6	34.0433	36.8501	0.114297	0.867427
POP7	156.388	278.257	0.831286	0.00153868
REXO2	92.9524	81.8635	-0.183271	0.718103
TSEN2	6.76429	6.98518	0.0463591	0.967226
ANP32B	227.39	231.889	0.0282648	0.977897
HTATSF1	8.42204	12.108	0.523724	0.0719976
UPP1	615.012	255.748	-1.26589	0.00153868
CD81	372.605	411.763	0.144168	0.809535
CASP8	7.43362	6.83944	-0.120187	0.870746
NUP93	25.582	33.6193	0.394161	0.22492
EC11	186.317	127.064	-0.552207	0.0504359
UBE2J2	37.0207	41.0487	0.149007	0.804694
CTSA	62.5821	54.2837	-0.205231	0.703707
ZXDC	6.8566	4.36437	-0.651722	0.135473
ACSS1	1.25486	1.09192	-0.200665	0.848628
FAM207A	108.005	92.745	-0.219758	0.639952
SUPV3L1	23.4121	21.1909	-0.143812	0.808127
PEX16	28.8144	19.1037	-0.592939	0.0360613
NLRC5	1.13495	1.30515	0.201586	0.794852

LOC645513	2.61871	1.7853	-0.552689	0.554994
ATXN2	6.88646	5.23894	-0.394487	0.270059
RAD18	3.96684	4.57138	0.204639	0.698819
HIST2H2AB	0.373645	0.340072	-0.135824	0.983529
RPTOR	7.06354	6.92312	-0.0289678	0.978031
THRA	8.79863	6.01414	-0.548921	0.426631
TCP1	106.305	181.215	0.769494	0.00380811
FAR2	3.87716	1.91259	-1.01947	0.00153868
PCBD2	3.32803	2.42914	-0.454221	0.348481
LOC100287015	2.02205	1.79963	-0.168117	0.876392
LPGAT1	5.19622	4.62536	-0.167897	0.76395
SPIRE1	6.55422	5.25513	-0.318698	0.399378
CCDC28A	21.2801	8.08028	-1.39703	0.00153868
SMPDL3A	1.73152	1.22725	-0.496609	0.393124
LOC100289019	2.06201	2.06245	0.000306574	0.999234
CLPTM1L	52.4157	80.5948	0.620687	0.0156935
C17orf49,RNASEH1	448.076	403.669	-0.150569	0.809535
MT2A	8659.89	9754.96	0.171787	0.780958
SFT2D1	123.542	108.028	-0.193593	0.705885
XRCC4	7.3722	4.74264	-0.636403	0.0650492
GEN1	1.84044	1.6479	-0.159421	0.821425
KLHL21	46.1348	41.8248	-0.141499	0.814388
NCOA5	11.2407	14.1104	0.328022	0.384397
SLC25A22	24.8177	46.4349	0.903838	0.00153868
NEK11	0.707579	0.385807	-0.875011	0.474234
SPATA6	0.682284	0.203699	-1.74393	0.00153868
BNIPL	0.24207	0.170752	-0.50352	1
ASF1A	5.88655	4.21443	-0.482083	0.267205
BCAS2	27.1397	27.171	0.0016601	0.999146
SLC4A2	76.3921	114.731	0.586763	0.0290262
SRRM2-AS1	0.393806	0.29383	-0.422503	0.961132
L3MBTL3	1.24783	1.70822	0.453074	0.324946
R3HDM4	103.439	86.5393	-0.257357	0.524958
FAM83H	41.385	50.0083	0.273059	0.481252
SLC25A44	7.01592	10.2165	0.542194	0.076039
NOP16	110.452	215.045	0.961217	0.00153868
SLMO1	8.30556	4.81753	-0.785783	0.0264621
ALG14	6.29325	8.66021	0.460596	0.307226
CORO7,CORO7-F	188.143	164.455	-0.194135	0.783706
LOC100129361	6.07301	6.25438	0.0424544	0.967343
DLG1-AS1	0.233119	0.09918	-1.23294	1
SF3B4	73.5463	82.8145	0.171231	0.742612
SH3PXD2B	4.38451	3.49419	-0.327457	0.40075
NSUN5	35.2825	35.7611	0.0194398	0.9843
RANGAP1	111.875	130.838	0.225899	0.630584
SEC61B	366.143	473.438	0.370766	0.263581
TSN	24.6965	25.8079	0.0635041	0.940598
ULBP2	13.6458	14.5077	0.0883599	0.925937
SF3A2	115.599	71.5388	-0.692326	0.00380811

SRM	199.062	374.993	0.913644	0.00153868
SCPEP1	12.0846	7.69376	-0.651415	0.0280907
ZNF394	15.7161	16.4153	0.0627897	0.945597
SFT2D2	4.04122	3.92423	-0.0423801	0.978996
RSU1	13.8227	18.4638	0.417664	0.172992
FAM76A	1.25809	1.49102	0.24507	0.761869
FAM222A-AS1	4.10284	8.60083	1.06785	0.0467998
ANKRD63	0.0905473	0.0675207	-0.423342	1
ARHGAP8,PRR5,	34.0972	53.9005	0.660646	0.0163491
SAMHD1	1.40548	2.65504	0.917674	0.00897284
SYNJ1	0.733905	0.63175	-0.21624	0.784724
DTL	7.15495	6.15378	-0.217471	0.790468
H2AFY2	22.7647	11.1587	-1.02863	0.0644552
LINC00507	0.0780148	0.0345341	-1.17573	1
RBM8A	27.6575	31.3567	0.181103	0.782739
SFT2D3	8.36163	6.6508	-0.330255	0.469232
ZNF205	20.8861	18.5138	-0.173943	0.783706
PANK2	16.184	14.1875	-0.189944	0.739148
ATAT1	1.79402	1.50088	-0.257386	0.808982
LRRC8B	1.71941	1.78441	0.0535348	0.960217
WASH5P	3.36316	2.94097	-0.193524	0.869722
DTYMK	77.532	99.1347	0.354598	0.303067
PMVK	29.9647	29.0933	-0.0425741	0.967343
PFDN6	129.748	126.738	-0.0338593	0.974348
AMDHD2	30.2356	16.9248	-0.837106	0.0832671
MSI1	20.1856	25.4424	0.333912	0.35293
MRPL38	117	122.009	0.0604788	0.944033
NLRX1	8.73133	4.65338	-0.907922	0.00380811
RPL21P44	0.078479	0.0363982	-1.10844	1
SNHG11	14.6665	9.78986	-0.583168	0.115387
SCAMP2	40.044	32.9724	-0.280327	0.515466
ISOC2	102.732	125.503	0.288839	0.477384
NUDT16	8.2466	8.97882	0.122726	0.954252
SLC29A1	73.3206	97.7182	0.41441	0.188237
HRAS	45.3063	70.9579	0.647252	0.0187307
PTRH2	53.57	72.9149	0.44479	0.153539
ATAD2	12.213	11.3175	-0.109862	0.879055
ITGAM	0.0237758	0.0176721	-0.428017	1
LONRF3	2.90936	2.32031	-0.326381	0.600871
HGF	3.84244	5.63365	0.552049	0.218096
ADIPOR2	11.7813	16.833	0.514786	0.0689012
FLJ46906	5.59647	2.62676	-1.09124	0.0103919
FAM222A	1.46116	3.46608	1.24619	0.0156935
TTC14	1.69694	1.78647	0.0741835	0.951965
LOC374443	1.1819	0.48189	-1.29433	0.00478151
NKD1	1.3382	0.911723	-0.553629	0.14863
SH3BP5-AS1	0.934092	0.562964	-0.730521	0.605317
DNAJA3	43.1376	42.6354	-0.0168923	0.985492
MORN4	5.28197	4.1539	-0.346609	0.463667

TAOK3	1.41175	1.27773	-0.143903	0.879418
SRF	27.3411	25.5279	-0.0989921	0.890489
PIH1D2	1.44598	1.26629	-0.19144	0.964843
RGS16	4.9093	7.7092	0.651065	0.0442243
MXD1	7.4724	4.71484	-0.664363	0.020985
G6PD	27.1017	30.7222	0.180898	0.802416
TBCB	92.564	86.2567	-0.101814	0.919207
CNIH	76.7504	64.23	-0.256927	0.535841
TEKT5	0.0951406	0.0463908	-1.03622	1
GCKR	0.118823	0.0415587	-1.51559	1
COPS3	44.0421	47.0636	0.0957287	0.897031
RSAD1	35.9289	33.0979	-0.118403	0.859038
DISP2	1.0583	1.06135	0.00416122	0.998382
PPP1R12C	22.1161	23.9929	0.117509	0.870063
PPP2R2D	14.7764	17.0839	0.209342	0.684734
EOGT	5.42505	4.83902	-0.164921	0.790086
PLEC	19.6478	27.8425	0.502917	0.0840806
PLXNA1	7.63378	12.0273	0.655847	0.0103919
PLSCR1	6.25616	4.74593	-0.398586	0.342031
GNG12	30.0142	17.0185	-0.81854	0.0192959
METTL17	43.2941	38.7693	-0.159256	0.777535
IKBK	14.0736	14.4678	0.0398493	0.983243
MEPCE	65.2579	80.2145	0.297712	0.456287
CDK5RAP1	18.8483	17.6608	-0.0938829	0.903915
CXorf40A	7.37722	7.45355	0.0148521	0.991175
TECPR2	0.888529	1.02186	0.201703	0.792555
ZNF780B	0.790416	0.706647	-0.161624	0.845932
TIMMDC1	44.4909	33.0347	-0.42953	0.165955
CASP4	187.258	119.112	-0.652704	0.0130226
IFI35	5.72297	3.34767	-0.773608	0.0691625
SIPA1L2	0.344436	0.40449	0.231868	0.828851
SKA1	9.36268	7.04917	-0.409468	0.248223
DCTPP1	111.505	205.245	0.880235	0.00153868
HIST1H2AC	4.45264	6.11104	0.456756	0.665087
DNMT1	21.5679	27.18	0.333658	0.334299
RTEL1,TNFRSF6I	7.32984	8.98218	0.293284	0.861774
POLR2K	68.3877	80.3037	0.23173	0.599775
NPAS1	3.20553	0.717005	-2.16051	0.00153868
B9D1	41.2413	27.4792	-0.58575	0.239715
MRPS10	24.0139	21.2834	-0.174142	0.745547
C6orf89	5.48326	4.66166	-0.234192	0.608336
ABHD5	3.0945	2.75898	-0.16557	0.795726
WBSCR22	130.183	119.826	-0.119602	0.860871
CA5BP1	14.0184	15.6895	0.162476	0.836107
LOC399815	0.596973	0.318884	-0.904634	0.629024
MFS12	90.4301	100.256	0.148813	0.805794
FLOT1	128.02	72.8059	-0.814245	0.00153868
TGFA	2.21759	1.83642	-0.272093	0.641699
C1orf226	1.66195	1.54907	-0.101479	0.930048

RFT1	10.5892	8.5112	-0.315154	0.403473
RGS17	0.0389027	0	#NAME?	1
INSR	3.1834	2.32919	-0.450742	0.169004
C10orf35	27.6418	29.1919	0.0787172	0.930048
DMRTA2	7.61417	9.61715	0.336924	0.480434
MRPS21	436.065	420.589	-0.0521339	0.955041
FOSL1	395.99	299.359	-0.403585	0.204028
MRPL4	184.853	236.989	0.358444	0.297593
COG8,PDF	33.943	38.2385	0.171911	0.913875
MAP3K15	0.795277	0.880343	0.146608	0.980228
SLCO3A1	2.73791	2.61345	-0.0671174	0.960032
APEX2	25.9927	27.7517	0.0944706	0.902428
OAS3	1.91927	2.00721	0.0646361	0.952539
KBTBDB8	1.08729	1.42976	0.395037	0.419912
PPP5C	36.762	44.2648	0.267945	0.504902
DEF8	49.7522	83.6918	0.750327	0.0304296
MPC1	19.5311	23.211	0.24904	0.630091
SLC41A3	22.9428	13.0224	-0.817051	0.00380811
ANKRD30BP2	0.0598195	0.0211295	-1.50136	1
ASB7	2.69951	2.17702	-0.310341	0.625203
LSM1	40.8221	54.8105	0.425099	0.313
ADCK4	25.6109	10.5931	-1.27363	0.00153868
LMAN2	125.824	110.72	-0.184493	0.722516
KCNK1	16.0789	12.0903	-0.411322	0.224437
ELP5	57.6713	66.2486	0.200037	0.693923
TMEM62	10.1022	6.15441	-0.714974	0.0117316
RPUSD1	90.0944	149.815	0.733668	0.00274688
ZNF385A	17.7773	12.0993	-0.555113	0.0767959
OAF	56.3449	52.6114	-0.0989107	0.887978
C9orf64	11.7057	10.6311	-0.138921	0.837571
PPOX	18.6671	9.49218	-0.975684	0.00153868
LHFPL2	2.91842	3.16065	0.115033	0.887413
OGFR	47.23	60.6026	0.359676	0.28912
ZNF689	4.39347	4.28928	-0.034626	0.975654
H3F3B	246.143	251.872	0.0331903	0.975484
MAF1	231.859	215.089	-0.108312	0.879418
KIF9	1.53847	1.52094	-0.0165384	0.995799
SRP54	10.5627	10.1435	-0.0584286	0.952184
PNPLA8	2.12346	1.3484	-0.655171	0.0605998
RCN1	75.0292	60.7929	-0.303551	0.424678
USP14	12.9235	16.0333	0.311077	0.390823
LRRC8A	15.5126	18.2779	0.236654	0.607207
DOCK8	0.440063	0.434423	-0.0186102	0.992304
RBFOX3	0.0399369	0.103094	1.36816	1
BIRC2	20.0041	15.3508	-0.381983	0.258195
PSMG3	70.456	92.4385	0.391771	0.234147
KLF10	14.7467	13.2718	-0.152028	0.802621
MGAT1	38.6728	58.0411	0.585753	0.0264621
C1QL3	0.394337	0.294747	-0.419951	0.954535

HNRNPD	142.379	167.396	0.233531	0.610939
MCM5	40.264	41.7401	0.0519446	0.955713
LBR	12.2769	15.7351	0.358046	0.285815
FBXL19	13.2375	21.7675	0.717547	0.00478151
BBIP1	9.30133	5.25814	-0.822885	0.2196
RMDN2	0.410929	0.608821	0.56713	0.538721
C16orf93	3.31282	3.3398	0.0117023	0.998975
WNT3	1.30452	1.02717	-0.344838	0.786155
FLJ31813	0.400278	0.399791	-0.00175616	0.998382
LLPH	57.7844	87.7717	0.603076	0.0264621
DHX33	11.1099	13.359	0.265963	0.509766
SH3TC1	4.46278	3.18138	-0.488288	0.226046
SLC25A25	19.5396	17.6244	-0.148833	0.805817
CCND3	33.1023	66.4367	1.00505	0.00153868
MFSD5	27.1584	40.06	0.560762	0.0407657
PYCR1	28.3231	36.1646	0.3526	0.322682
LSM4	168.754	158.939	-0.0864468	0.907653
UST	3.04497	2.49456	-0.287647	0.571151
EBNA1BP2	98.3942	167.896	0.770927	0.00274688
PIP5K1C	9.66556	14.0415	0.538767	0.0603207
ANP32A	57.5696	70.1574	0.285289	0.45332
WWP2	12.6185	11.1211	-0.182232	0.751293
RNF13	7.36235	4.41605	-0.73741	0.0181648
MIS12	10.2189	8.95577	-0.190354	0.744543
CENPW	68.7232	85.6495	0.317648	0.437751
CSNK1G2	40.8936	54.5872	0.416687	0.164242
DDI2,RSC1A1	2.64225	2.99316	0.179899	0.837049
RPS19BP1	142.532	253.299	0.829558	0.00153868
ZSCAN5A	0.66368	0.986779	0.572239	0.421947
POMT2	3.71579	3.80264	0.0333305	0.976134
OCLN	5.55647	4.62733	-0.263989	0.553059
CHRNA5	2.04298	3.47196	0.765076	0.0187307
RAB11FIP2	1.62265	1.54882	-0.0671858	0.949088
GLI4	34.2151	16.5461	-1.04814	0.00153868
CDC37	305.857	342.46	0.163079	0.773721
USP54	1.12298	1.33838	0.253152	0.691588
FAM69B	3.86047	3.06316	-0.333753	0.972592
MRPS18A	79.95	62.4251	-0.356971	0.289507
SLC46A1	6.60898	8.17634	0.307028	0.456577
PIK3R4	3.23969	4.38482	0.436661	0.208798
SLC25A28	22.5405	22.3117	-0.0147232	0.991324
LONP1	115.941	81.8852	-0.501714	0.0792007
AIMP2	14.235	15.336	0.107485	0.975484
MYPOP	11.8847	18.377	0.628797	0.0491395
MFSD1	13.8069	13.9021	0.00991638	0.994058
CHCHD2	930.192	840.151	-0.14688	0.810769
FIP1L1	11.6937	10.1427	-0.205284	0.703707
CCNE1	17.9058	31.6586	0.822166	0.00153868
SFN	74.5244	256.235	1.78168	0.00153868

KHSRP	70.8984	70.5915	-0.00625754	0.994734
ZBTB8OS	16.2825	17.1687	0.0764566	0.943284
LIAS	11.3323	6.70216	-0.757747	0.00572929
ARHGDI1A	305.03	354.52	0.216916	0.642898
SRSF2	103.702	269.601	1.37838	0.00153868
LTBP2	0.780072	0.539494	-0.532	0.283034
NPTN	23.875	26.6098	0.156459	0.786895
MCL1	89.8036	76.0014	-0.240749	0.590377
ANKLE2	15.6416	16.0578	0.0378873	0.968167
CNDP2	20.5927	22.7364	0.142871	0.816181
ZNF787	88.1987	66.2526	-0.41278	0.199834
CCDC122	1.40843	0.370163	-1.92785	0.0351856
SLC29A3	8.34876	5.58319	-0.580471	0.106507
GSS	81.6737	55.0436	-0.569297	0.034328
ANKS1B	3.0192	2.43333	-0.311233	0.743874
SF3A3	43.5858	47.5523	0.125656	0.84864
RHOC	323.287	362.698	0.165952	0.769834
AIFM2	24.0897	17.957	-0.423871	0.337256
TMX3	6.9559	5.88624	-0.24089	0.5947
HTATSF1P2	2.85459	1.6658	-0.777069	0.0187307
TMEM115	43.6874	61.991	0.504842	0.0705331
PSMB2	37.9477	45.0745	0.248299	0.549105
E2F7	3.63109	3.57489	-0.0225027	0.982576
CCDC157	0.623082	0.808793	0.376349	0.974348
DNAJC2	27.6294	39.6647	0.521649	0.385184
SOLH	35.1282	55.6411	0.663519	0.00739414
CHMP6	16.0706	22.8426	0.507306	0.126736
DBNL	46.0128	48.9224	0.088461	0.909313
SEPSECS	1.08517	0.486472	-1.15749	0.00274688
SCARNA17	8.01455	6.77544	-0.242306	0.860741
ATP5D	443.231	440.448	-0.00908688	0.994058
RPA2	33.9276	40.5316	0.256588	0.535571
APC2	1.11546	0.960854	-0.215247	0.951891
SLC39A7	51.2409	69.8734	0.447448	0.117359
GPANK1	23.4119	18.5962	-0.332238	0.831614
PBLD	0.595469	0.250166	-1.25114	0.879055
TOE1	12.7045	19.1337	0.590779	0.158977
SSR3	291.85	231.88	-0.331844	0.387751
TAP1	29.9316	31.5804	0.0773581	0.952221
PARP9	2.13719	1.62857	-0.392113	0.66836
SIL1	47.9892	29.9684	-0.679265	0.0130226
ZNF300	6.78059	6.61627	-0.035393	0.974348
MGLL	35.1652	22.9775	-0.613928	0.0204286
XKR6	0.196761	0.133033	-0.564662	1
GFM1	8.91117	11.6149	0.382287	0.328749
PPIF	73.49	132.273	0.847904	0.00153868
KIAA0556	1.91425	1.64313	-0.220334	0.727839
ST8SIA5	0.0210366	0.0311233	0.565096	1
POLE3	47.3404	71.9886	0.604695	0.0243026

SPRYD4	10.4157	13.1482	0.336109	0.621923
LOC401052	2.13811	2.32651	0.121834	0.926086
R3HCC1L	7.37049	7.44235	0.0139962	0.992304
PHYHD1	0.0780289	0.0568162	-0.457708	1
DNAJC16	2.59398	2.69655	0.0559466	0.975928
NUP43	11.3843	9.54015	-0.25496	0.542635
TRMU	22.1159	38.3648	0.794695	0.00153868
SMIM4	79.1523	95.6015	0.272402	0.574857
PROSER1	7.28039	7.51352	0.0454737	0.963608
VPS26A	26.1856	20.0339	-0.386331	0.226744
GPATCH3	9.16339	10.4919	0.195318	0.746171
SYBU	8.21756	6.62938	-0.309836	0.470965
MSL3P1	5.10718	4.70971	-0.11689	0.895596
THOC5	32.4997	20.2812	-0.680282	0.00739414
SKA2	19.3253	15.9499	-0.276947	0.485946
IL4R	7.80874	8.80012	0.172433	0.774564
ZDHHC13	8.12845	5.95527	-0.448814	0.20701
PPT1	53.1089	56.3308	0.0849696	0.911075
HOXD9	12.4058	9.27148	-0.420148	0.324946
KIAA1107	0.284962	0.084185	-1.75914	1
STEAP1	12.0368	12.2502	0.0253556	0.981022
ZNF562	4.3139	3.28189	-0.394466	0.262058
GEMIN8P4	1.12101	1.13131	0.0131974	0.994593
RABL5	10.7271	8.3021	-0.369713	0.328749
C8orf47	9.06566	10.3417	0.189984	0.858729
KCTD1	2.93726	2.70614	-0.118234	0.91609
CLCN2	7.13842	9.19203	0.364778	0.592084
NASP	49.8782	50.586	0.0203271	0.983243
SPECC1L	7.68147	9.00705	0.229672	0.633281
ADRM1	174.795	246.178	0.494033	0.0857307
MITD1	20.3129	17.1746	-0.242116	0.643713
RCC2	25.1292	38.373	0.610728	0.0163491
FBXL6	63.9603	89.5226	0.485075	0.0832671
LAMP1	78.1827	88.9724	0.186507	0.718059
PSMA7	317.941	399.766	0.330396	0.357338
FBXL19-AS1	0.352312	0.397174	0.172915	0.978818
C17orf89	93.5391	138.895	0.570357	0.0467998
CTSD	196.034	144.155	-0.443484	0.201515
C22orf26	0.466135	0.221853	-1.07114	0.735654
C10orf114	9.60086	7.65492	-0.326777	0.552898
ARID3C	0.102335	0.0885348	-0.208982	1
FAHD2A	28.1656	15.0174	-0.907301	0.00153868
MID1IP1	36.7949	29.4741	-0.320056	0.410809
SWSAP1	2.92681	3.61291	0.303834	0.680305
DPP8	0.974998	0.756674	-0.365728	0.554334
WDR83	17.5757	18.8417	0.100345	0.978818
NSMCE4A	22.5033	21.0145	-0.0987519	0.899607
ARPC5	27.3724	31.5939	0.206927	0.662083
ARPC1B	185.396	192.839	0.0567849	0.974017

BUB3	145.224	133.763	-0.118602	0.872122
VAR52	22.0637	16.3841	-0.42938	0.175048
CCDC59	23.6954	22.6007	-0.0682418	0.939068
C2CD4C	11.501	10.258	-0.165008	0.803196
GINS4	6.28415	6.99159	0.153903	0.810769
TMEM175	9.24183	5.91448	-0.643927	0.103353
TNFRSF10A	7.00857	8.79898	0.328217	0.492079
BAZ1B	10.9319	13.6624	0.321669	0.371307
C5orf34	3.13997	1.73021	-0.859805	0.00970147
CSTF2	11.7598	14.0123	0.252825	0.594489
TSIX	0.0100891	0.0116	0.201326	1
ILDR2	0.733477	0.716148	-0.0344944	0.978996
TMEM92	0.108802	0.0139614	-2.96219	1
BCL2L1	157.876	130.661	-0.272965	0.489185
MBD4	9.6751	12.7338	0.396316	0.456287
SIGMAR1	177.282	146.356	-0.276561	0.493555
DNMT3A	1.3025	1.27307	-0.0329659	0.984156
WDR53	3.35297	3.46799	0.0486599	0.971173
UNC13D	0.870508	0.281517	-1.62863	0.00380811
MVB12A	78.5151	49.3531	-0.669829	0.0103919
PELI2	0.76973	0.192103	-2.00247	0.00153868
BCL2A1	53.7547	46.1656	-0.219573	0.641994
NEK3	9.58613	5.00671	-0.937085	0.00153868
EMP2	3.84733	4.4041	0.194991	0.730732
DAZAP1	128.572	106.776	-0.267985	0.503126
S100A11	1098.13	1242.74	0.178481	0.742295
UBALD1	51.4537	49.6668	-0.0509924	0.957868
ATP10D	0.964241	0.686231	-0.4907	0.289501
ST3GAL1	6.16816	6.56469	0.0898849	0.908661
TMCO1	15.7799	15.8241	0.00403511	0.996948
PSMD1	24.7114	34.4977	0.481327	0.0900926
RANBP1	178.509	287.247	0.6863	0.00820276
EMC3	32.4715	30.8351	-0.0746006	0.933684
PRDX5	449.716	355.626	-0.338653	0.357918
TOR2A	48.0132	46.453	-0.0476605	0.961672
RRS1	47.8604	100.011	1.06326	0.00153868
SMUG1	41.1133	34.8776	-0.237305	0.731108
EMC7	104.116	98.8202	-0.0753083	0.926279
MGC39372	2.38661	0.597798	-1.99723	0.00153868
DDA1	13.3563	17.4301	0.384062	0.270647
C9orf3	2.32884	2.52657	0.117568	0.906322
B3GALNT2	7.36145	6.90885	-0.0915442	0.920543
KRT81	0.854972	0.679012	-0.33244	0.804694
UBE4A	7.23897	5.6311	-0.362368	0.824472
TSHZ1	1.67622	2.06562	0.301365	0.599981
SEL1L3	11.7154	5.65501	-1.05081	0.00153868
SMARCA2	5.67122	3.07428	-0.88341	0.00153868
IFT20	31.6117	29.1125	-0.11882	0.952441
SIMC1	10.8933	13.0534	0.260979	0.57283

PEX5	41.8128	30.5164	-0.45436	0.128171
HCG18	1.69323	1.9365	0.193673	0.91609
DPM2	173.015	180.129	0.0581327	0.948152
HMGA2	26.2858	20.5206	-0.357214	0.522562
AKIP1	27.7471	18.0532	-0.62008	0.0464744
ADI1	24.7383	40.5978	0.714652	0.00380811
ARMC2	0.0847659	0.0585305	-0.534295	1
ELOVL1	111.443	101.429	-0.135838	0.830497
CHM	2.39241	1.31359	-0.864957	0.00739414
KPNA5	0.7665	0.833347	0.120631	0.935507
DMRT2	3.17331	3.2298	0.0254526	0.985739
VKORC1L1	11.2776	12.4407	0.141604	0.864909
IL7	0.696765	0.600809	-0.213765	0.875956
UGGT2	2.79851	2.3717	-0.238739	0.660186
CRK	9.89373	10.3103	0.0595058	0.949676
ZDHC5	20.3612	19.6408	-0.051967	0.95395
AP5M1	4.78984	5.02897	0.0702839	0.971663
DPY19L1	3.50697	3.85979	0.138298	0.849881
PIGM	2.59696	2.65155	0.0300097	0.978818
SPAST	2.10544	2.37533	0.174008	0.799656
TAF9	117.723	114.079	-0.0453642	0.965765
ZFAND3	25.8726	16.9979	-0.606068	0.0253664
C19orf60	67.3864	46.8457	-0.524542	0.103079
SLC12A2	1.92418	3.05736	0.668041	0.0253664
FAT1	1.38356	1.38231	-0.00130916	0.999234
FUBP1	24.586	26.8141	0.125155	0.848628
FKBP5	8.18758	9.90321	0.274459	0.503119
PON2	41.3476	36.0086	-0.199461	0.677754
RNF123	10.7807	9.21497	-0.226393	0.733299
DNTTIP2	22.5819	32.6071	0.53002	0.0529824
FAM13B	3.04816	2.50534	-0.28293	0.548535
ATE1	1.44473	1.37079	-0.0757931	0.959358
LMTK2	3.94104	4.01918	0.0283219	0.97803
PRKCQ	1.54775	1.09789	-0.495437	0.321903
SETD1B	2.93735	3.81759	0.378146	0.335084
HOXC4,HOXC5,H	15.0472	16.3193	0.117091	0.887242
GMFB	8.83352	9.82758	0.153847	0.796068
TMEM163	0.0429706	0.0599661	0.480798	1
PTPN7	30.8882	38.107	0.303001	0.419202
COMT	61.216	38.2589	-0.678116	0.086788
STRAP	95.8543	126.076	0.395376	0.218306
DCLRE1C	3.63314	2.21467	-0.714125	0.0270318
SLC45A3	7.74857	9.02703	0.22032	0.679452
LOXL3	6.67929	8.04752	0.268849	0.939948
FAM73B	21.3267	27.6263	0.373384	0.258195
RRAD	0.151156	0.560114	1.88968	0.171058
TIMM23	140.282	174.309	0.313316	0.385949
GLYCTK	11.0293	6.72592	-0.713541	0.0523053
FAM86C1	3.5206	3.29801	-0.0942267	0.937064

PPP1R15B	9.15944	7.32591	-0.322252	0.391565
MSRA	11.9919	15.5309	0.373083	0.34787
ABCC4	4.18489	3.61126	-0.212686	0.68022
TRAPPC12	19.9097	14.601	-0.447399	0.184001
UNC119B	14.0065	11.7859	-0.249038	0.58376
FMO4	0.450067	0.155876	-1.52974	0.0689012
AOC3	0.970504	1.19432	0.299387	0.715911
TSPAN4	63.7323	36.134	-0.818666	0.00153868
BRMS1	54.1487	92.7393	0.776255	0.00153868
SLC9A1	10.711	12.5662	0.230452	0.629024
FAM111A	5.26228	4.60787	-0.191588	0.736417
ALG3	78.9688	74.3004	-0.0879126	0.91466
WDR34	162.288	141.74	-0.195307	0.850773
IL27RA	12.0897	21.9784	0.8623	0.00153868
NR5A2	0.0323139	0.00575137	-2.49018	1
SNX22	0.564075	0.530522	-0.0884737	0.994068
GJD3	3.71869	3.47153	-0.0992243	0.919777
CCM2	21.2667	25.7744	0.277342	0.525673
DPY19L2P3	0.278735	0.179392	-0.63578	1
ATXN2L	61.8431	32.5911	-0.924137	0.00153868
C2orf27A	0.446699	0.356282	-0.326282	0.862353
ZNF428	14.1133	14.7538	0.0640347	0.953159
CDIPT	63.0664	64.8424	0.0400656	0.966398
ATF4	613.949	242.476	-1.34027	0.00153868
IDH3B	57.4728	54.6554	-0.0725156	0.931878
RTN4IP1	3.68952	3.68895	-0.000224227	0.999404
TMEM33	9.70654	13.1444	0.437425	0.160098
RRP9	88.513	153.446	0.79377	0.00153868
MCM8	2.29996	1.74931	-0.394824	0.39733
NIPA2	23.1882	33.6118	0.535575	0.0512103
ADCYAP1R1	0.0441839	0.00178161	-4.63226	1
AP4E1	1.59054	1.50799	-0.0768888	0.939068
ZGLP1	2.15411	2.45784	0.190302	0.857354
RTN4	128.626	117.206	-0.134141	0.831834
MUTYH	14.532	8.06122	-0.850161	0.234263
NCBP1	13.5117	14.7871	0.130126	0.863787
SAFB2	14.2296	18.4249	0.37276	0.286272
CCNYL1	4.11047	6.30955	0.618233	0.0637721
HTRA1	0.380793	0.626408	0.718095	0.438793
L3MBTL2	11.4794	20.3736	0.827654	0.00153868
SGK196	0.489241	0.586596	0.261823	0.867118
RUSC2	10.9014	7.20205	-0.598029	0.0347593
MED19	7.34475	6.14119	-0.258195	0.664444
REXO4	85.9949	126.947	0.561909	0.038486
CACHD1	1.23179	1.21006	-0.0256801	0.983529
AP2S1	201.757	242.237	0.263801	0.518305
NAT9	34.7894	34.9528	0.00676029	0.994593
REC8	0.597694	0.827931	0.470103	0.974027
NUP35	7.60513	8.51031	0.162239	0.81604

MICAL2	4.43802	3.3233	-0.417302	0.298627
ADAMTS9	0.197781	0.297193	0.5875	1
SLC19A1	25.5547	44.0592	0.785851	0.00153868
ARHGAP40	1.85534	0.647125	-1.51957	0.00153868
ATP9A	3.20026	2.19827	-0.54182	0.0854415
ELF3	0.0608654	0.0292228	-1.05853	1
NOXRED1	0.164713	0.19436	0.238776	1
FCHO1	10.6777	10.0182	-0.0919696	0.91392
ZFP2	0.356277	0.403435	0.179338	0.91387
ASPHD2	4.61331	7.27354	0.656854	0.0304296
FYN	8.30627	4.27261	-0.959084	0.00153868
TIMELESS	7.41807	6.47936	-0.195192	0.716155
MPHOSPH9	1.60342	0.985986	-0.701512	0.0805827
PFN1	1434.51	1604.47	0.16154	0.790754
RAMP2-AS1	0.0669087	0.022743	-1.55677	1
GET4	48.4258	63.5581	0.3923	0.219177
LINC00311	0.0627986	0.394025	2.64948	0.108649
LINC00336	0.0592214	0.00509772	-3.5382	1
TMC5	1.78528	1.57882	-0.177305	0.838861
PKD1	5.623	5.31451	-0.0814051	0.952163
IL17RA	4.19723	4.93176	0.232663	0.628969
FLAD1	37.4684	53.07	0.502224	0.0827369
HIRA	7.95332	11.6202	0.547007	0.0541611
PSMB3	350.443	378.178	0.109889	0.87748
DEGS1	35.1075	58.7644	0.743165	0.00380811
PRKCQ-AS1	2.91284	2.06592	-0.495646	0.28166
BAIAP2L2	0.189888	0.058467	-1.69946	1
PSMB6	285.268	306.969	0.105772	0.880754
ZFAND2B	29.8047	24.289	-0.295236	0.485845
SFXN2	8.19907	5.96923	-0.457916	0.220464
MYEOV	11.2682	10.2962	-0.13015	0.863831
HNRNPH3	46.0446	47.7536	0.0525756	0.954535
AGBL3	0.0890137	0.0769932	-0.209295	1
TRAF2	40.1818	72.6182	0.853789	0.00153868
SLC9A2	0.219339	0.255453	0.219893	1
UBE2M	160.058	177.698	0.150833	0.797218
TTF2	5.26399	6.29429	0.257888	0.561653
KDM1B	2.47565	1.53779	-0.686945	0.0487873
C11orf75	16.8173	17.4043	0.0495008	0.967343
MGC45800	0.84552	0.863784	0.0308325	0.983243
SLC12A6	1.46023	0.960073	-0.604978	0.704317
TXNL4A	84.0065	99.5108	0.244352	0.561739
HNRNPU	55.0526	71.0094	0.367198	0.270647
HOXA7	17.2052	15.2334	-0.175606	0.840956
UAP1	247.918	246.23	-0.00985369	0.994068
CSF1	2.87853	4.46077	0.631961	0.0813147
LOC100288181	0.448051	0.166054	-1.43201	0.00970147
ZNF850	1.89296	1.75627	-0.108128	0.899607
ZNF252P	4.62781	3.8691	-0.258334	0.581803

ARG2	23.1927	17.7608	-0.384979	0.659523
SCAND3	0.623189	0.509039	-0.291894	0.720688
C21orf119	9.35806	7.4265	-0.333527	0.629512
C11orf91	2.26617	1.59475	-0.506922	0.623241
WWC1	9.29877	10.1048	0.119925	0.861724
C17orf98	0.460727	0.373961	-0.301025	0.929057
MICALCL	0.260066	0.163623	-0.668508	1
SRSF1	25.4228	50.012	0.976151	0.00153868
TXNDC9	4.48132	4.93597	0.139407	0.873038
FAM19A3	1.08021	0.388049	-1.477	0.0491395
MXD3	36.9113	48.0457	0.380346	0.672486
SLC35B4	3.95533	4.51283	0.190236	0.727043
FOXRED2	10.2347	7.65935	-0.418173	0.199526
GRHL1	1.08725	1.03019	-0.0777804	0.954535
SATB2	1.70426	1.64923	-0.0473495	0.969603
GOLM1	61.8596	64.1315	0.0520354	0.954143
NAP1L5	1.28981	1.42842	0.147261	0.945399
ATP1B3	85.8342	125.762	0.551066	0.0496513
PPIC	15.3533	14.796	-0.0533408	0.959501
TECR	123.534	122.699	-0.00979223	0.994058
ZNF121	1.69027	1.40705	-0.264583	0.752311
CTNND1, TMX2	75.5676	81.7645	0.113707	0.944202
FAM167A	1.31769	0.593719	-1.15015	0.00572929
USP36	10.5769	7.79644	-0.440022	0.155896
EXOC6B	0.422563	0.407098	-0.0537891	0.978818
AGFG2	2.11378	3.01755	0.513553	0.200092
IDH3A	17.8409	28.9237	0.697064	0.00739414
RAB11B-AS1	4.69722	2.05856	-1.19017	0.848219
UNC5A	1.68092	1.29602	-0.375161	0.594489
SNRPB	542.358	768.85	0.503456	0.0884345
SLCO1B1	0.0682614	0.0353006	-0.951379	1
CD101	0.442796	0.451462	0.0279621	0.989353
HNRPDL	56.2109	59.5656	0.0836291	0.915223
PLAC1	0.364021	0.0862526	-2.07738	1
CHST12	11.9437	17.5056	0.55157	0.0999674
GATAD2A	21.0874	27.0975	0.361777	0.278468
IL13RA2	28.2705	22.8334	-0.308149	0.444284
PLAA	9.83315	7.50409	-0.389976	0.282312
POC5	4.36152	3.15996	-0.464924	0.274201
ANKRD20A9P	0.0892892	0.0688011	-0.376053	1
ECE1	16.8196	14.5868	-0.205476	0.677322
GGCX	7.43193	14.0762	0.921452	0.070307
PNN	20.5925	30.2049	0.552665	0.0500215
PDZK1	0.0790684	0.126163	0.674121	1
CLTB	149.664	180.568	0.27082	0.497598
MTF1	1.30175	1.42337	0.128862	0.876359
ZNF326	6.56656	6.70688	0.0305047	0.976906
TMEM48	6.45844	7.66828	0.247717	0.575231
PNPT1	10.5158	13.9491	0.407615	0.192012

PIGQ	43.3071	29	-0.578549	0.0329313
CFL1	780.613	1082.18	0.471257	0.122719
USB1	36.895	49.5145	0.424425	0.160303
KCNN1	0.150215	0.0428481	-1.80973	1
IL15RA	17.3695	13.9404	-0.317284	0.498453
CDS1	1.95089	1.72154	-0.180429	0.811883
ABHD13	1.89481	1.96353	0.0513976	0.963969
AMOT	0.249023	0.103353	-1.2687	1
UEVLD	1.3023	0.936792	-0.475256	0.438337
YIF1B	26.4611	16.7487	-0.659819	0.356798
ZWINT	33.4424	40.7309	0.284445	0.473572
RGP1	1.46479	1.01053	-0.535586	0.525673
IRX2	8.93102	9.73315	0.124083	0.884488
TAPBPL	1.7637	1.62044	-0.122223	0.960032
SPDL1	3.3641	3.80907	0.179218	0.798205
SOWAHC	9.15645	12.2066	0.414804	0.197192
TAF13	14.771	22.1889	0.587074	0.112314
STPG1	6.73128	2.92491	-1.20249	0.00153868
TMEM44-AS1	2.50142	0.825758	-1.59896	0.320971
GRN	162.666	124.897	-0.381172	0.247848
CLEC16A	2.93718	3.61154	0.298185	0.510787
SLC39A2	0.0463107	0.0236475	-0.969659	1
TTC28	0.551414	0.175966	-1.64784	0.0434002
LINC00641	0.877176	1.05627	0.268039	0.78932
C4orf48	66.6926	85.8164	0.363726	0.47828
CACNA1G-AS1	0.0679011	0.0286476	-1.24502	1
CASP10	1.25307	0.609453	-1.03989	0.00274688
GART	40.8745	30.9083	-0.403207	0.234378
NCKAP5L	6.957	7.83535	0.171533	0.772124
NOL12	7.61247	12.9516	0.76669	0.00572929
PYGB	26.6977	27.3927	0.0370774	0.978016
TPMT	5.73971	4.49693	-0.352039	0.377663
ABHD6	6.27592	8.21884	0.389107	0.337222
PPP1R13B	2.74309	2.96749	0.113441	0.89406
SFTA1P	440.344	357.162	-0.302055	0.436714
PARP12	11.8568	12.1863	0.0395521	0.968919
PACRGL	3.75729	3.78271	0.00973067	0.994593
NCLN	60.1201	90.2666	0.586345	0.0232503
RRP36	32.5239	56.0979	0.786446	0.00380811
KLB	0.0478219	0.0813084	0.765732	1
EGLN2,MIA,RAB4	56.9581	58.5407	0.0395383	0.967866
NOP10	591.996	595.035	0.00738683	0.994593
WRAP73	31.0027	33.8732	0.127749	0.845784
SLC35C1	12.2785	22.5492	0.876937	0.00153868
KCNMB4	0.0104621	0	#NAME?	1
PIGG	6.88632	6.44985	-0.0944664	0.940327
TEAD2	11.4262	9.71854	-0.233536	0.664524
LOC100507462	0.114846	0.0533234	-1.10685	1
NQO2	122.576	110.093	-0.154952	0.782309

FLYWCH2	48.0445	43.5453	-0.141854	0.831614
CYB561	16.3031	25.7609	0.660037	0.0123712
NCOA7	4.14818	2.23985	-0.889075	0.00274688
FAXC	0.552553	0.700598	0.342473	0.530199
CHTF8	43.7741	35.3585	-0.308021	0.435778
MRAS	1.93259	1.10384	-0.80801	0.0338188
PRTFDC1	7.42289	5.08271	-0.546385	0.115592
PDSS1	8.50322	11.6608	0.455581	0.665397
LRRC17	0.0584332	0.0513094	-0.187564	1
NDE1	6.67643	5.46615	-0.288552	0.568282
FAM91A2,LINC00	5.34619	4.06977	-0.393564	0.550766
FAM166A	10.0498	20.0306	0.995036	0.917927
LOC728190	24.1265	21.5425	-0.163435	0.840937
HSD17B10	146.522	158.193	0.110573	0.874024
PDRG1	33.7169	42.577	0.336602	0.342569
MBLAC1	4.06313	4.37812	0.107721	0.93937
C19orf57	0.736961	0.761509	0.0472735	0.980228
PHF5A	78.7111	104.311	0.406246	0.198701
AMDHD1	0.548814	0.29772	-0.882361	0.243349
MTHFR	1.14148	0.452615	-1.33455	0.117237
MGME1	13.8341	13.6108	-0.0234773	0.981441
CTPS1	25.5338	41.2908	0.693413	0.00739414
EIF5AL1	4.08864	5.67594	0.473238	0.164978
SIGLEC16	0.290131	0.201195	-0.528111	1
KIAA0040	2.02537	1.29507	-0.645154	0.0860839
B4GALT4	6.0497	5.3316	-0.182294	0.780692
GAL	166.612	278.902	0.743267	0.00274688
PRKXP1	0.153144	0.195277	0.350633	1
HARBI1	1.82062	1.52906	-0.251781	0.796068
B3GALT6	16.2578	22.0813	0.441696	0.176657
EXTL2	7.39912	5.67309	-0.38322	0.279083
LTB4R,LTB4R2	4.94283	4.43255	-0.157201	0.91689
FLJ42393	0.0551932	0.0728255	0.399952	1
HIATL1	20.795	24.6369	0.244584	0.568684
TACO1	20.0782	19.5507	-0.0384067	0.971057
SNORA11B	7.44054	0	#NAME?	0.458976
MBOAT1	1.53823	0.920771	-0.74036	0.0650492
BBS5	0.808451	0.779041	-0.0534627	0.976285
DBN1	140.34	126.001	-0.155484	0.790595
NDUFS7	196.727	172.986	-0.185536	0.716243
CNTN4	0.00801299	0.00175451	-2.19127	1
CYB561D1	4.44961	3.02998	-0.554367	0.093011
CTNS	6.00221	7.42396	0.306694	0.896977
TELO2	31.6177	52.3791	0.72826	0.0232503
ANK2	0.447413	0.131688	-1.76448	0.00153868
WDR92	3.48399	3.23771	-0.105765	0.917559
EFCAB4A	7.54872	4.78284	-0.658364	0.112989
PRSS27	1.66114	0.453287	-1.87368	0.0192959
AKAP7	0.874189	0.4973	-0.813829	0.149433

ZNF239	3.03737	3.01405	-0.011122	0.994204
PAPLN	0.163202	0.109769	-0.572186	1
NAA38	4.91463	4.16943	-0.237231	0.58449
TMEM39A	4.46311	3.79308	-0.234677	0.636263
ATP6V1G2,DDX3	196.415	184.742	-0.0883888	0.908076
TCEANC2	0.933372	0.808835	-0.206606	0.819558
PSPC1	23.6819	25.8645	0.127188	0.851768
C2orf76	1.50765	1.83157	0.280785	0.798053
FRA10AC1	6.89752	3.70473	-0.896711	0.00153868
COQ4	98.0018	83.3227	-0.234099	0.594419
TJP1	5.98116	5.98834	0.00173161	0.99885
DDX21	28.8306	37.9948	0.398203	0.217777
ALKBH6	20.539	14.0781	-0.544918	0.163598
SMC1B	0.00975274	0.0243866	1.32221	1
MET	8.8214	3.99964	-1.14114	0.00153868
CALHM2	0.476799	0.646217	0.438636	0.691117
CHST5	0.466653	0.764458	0.712085	0.303067
AGO2	21.5765	13.7664	-0.648314	0.0123712
SSBP4	79.529	103.514	0.380273	0.284182
AIFM1	42.3344	37.7223	-0.166411	0.776418
OCIAD1	52.0346	28.6785	-0.859502	0.00153868
PLCD4	0.485393	0.617829	0.348055	0.716666
CCDC66	1.91376	2.28179	0.253757	0.905839
TMEM63A	6.24782	5.563	-0.167489	0.869513
BMP8A	0.316628	0.232817	-0.443597	1
CD58	9.86709	7.3396	-0.426923	0.298867
OXCT1	24.3297	18.1262	-0.42464	0.165129
SYVN1	18.8865	18.3607	-0.0407346	0.994204
BCDIN3D	2.75558	2.20658	-0.320542	0.566297
MRPS18C	21.9448	24.0938	0.134785	0.882823
MSRB2	12.0275	6.91707	-0.798097	0.00659556
PRMT5	89.4949	67.3013	-0.411171	0.1743
TMEM158	36.0352	37.0344	0.0394584	0.970452
GLRX3	144.997	124.38	-0.221271	0.623057
BREA2	0.669659	0.57777	-0.212931	0.928779
BNIP2	14.5796	9.70585	-0.587028	0.0355697
GAREM	0.431419	0.39611	-0.123188	0.924931
RFC3	7.80193	7.89669	0.0174173	0.988052
LINC00629	0.0764566	0.0842907	0.140733	1
GTF2IRD2B	0.115947	0.0658766	-0.81563	1
AGBL2	0.0696337	0.028317	-1.29812	1
C2CD3	0.340182	0.355977	0.065477	1
SGTA	83.6612	122.687	0.552352	0.0429833
CENPM	36.9946	35.0094	-0.0795731	0.933369
TM9SF1	22.5059	19.8641	-0.180143	0.738519
PPP4R4	0.860974	0.707909	-0.282406	0.882304
UTP11L	27.2374	36.2936	0.414128	0.185874
RHEBL1	12.5864	16.6424	0.40299	0.318863
NRBF2	8.48533	6.54508	-0.37456	0.358817

MMS22L	1.26361	1.09545	-0.206028	0.752121
STAB1	0.0124202	0.00679392	-0.870368	1
CLIP1	6.35702	4.96162	-0.357541	0.307111
GMPPA	34.6665	29.8695	-0.21487	0.665343
RASD1	0.152033	0.0121908	-3.64053	1
EVC	7.45241	5.28243	-0.496507	0.0956889
SLFN5	1.46168	0.290992	-2.32858	0.00153868
PDE3B	1.23834	1.59061	0.361169	0.461694
AGPAT9	6.92895	5.16253	-0.42456	0.254028
PSME2	129.284	158.202	0.291224	0.438502
KCNK5	5.67758	7.47012	0.395854	0.291935
RER1	45.6519	41.8947	-0.123907	0.877622
KCTD5	35.3967	43.2722	0.289828	0.452338
PSMG1	85.2296	97.3681	0.192095	0.70088
WNK4	1.38571	0.488041	-1.50555	0.00380811
MEF2B,MEF2BNE	15.9604	15.9344	-0.00235269	0.999234
CRB3	1.41041	0.300793	-2.22927	0.135473
DDRKG1	104.828	86.1953	-0.282348	0.472938
PPAP2C	97.9442	76.143	-0.363249	0.286005
COASY	59.5123	52.0836	-0.192358	0.707415
THBS2	0.530063	0.433175	-0.291215	0.739297
L1TD1	0.0182169	0.0191084	0.0689284	1
ZNF717	0.177566	0.0853076	-1.05761	1
PET100	176.242	186.406	0.0808864	0.922274
SLC22A15	1.38064	0.591714	-1.22237	0.00478151
PNPLA2	86.0036	77.7785	-0.145025	0.804859
HAL	0.083071	0.17971	1.11325	1
TOMM40	136.739	235.21	0.78253	0.00153868
GHITM	106.49	82.5777	-0.366892	0.267972
PPARGC1A	0.00749337	0	#NAME?	1
PLTP	10.6883	7.99594	-0.418691	0.831834
PYROXD1	3.78952	1.43701	-1.39895	0.00820276
TEX40	0.087625	0.129809	0.566972	1
SSBP1	313.176	329.31	0.0724733	0.93285
LOC440925	0.130393	0.0477589	-1.44902	1
ZNF580	104.051	81.1531	-0.358571	0.3056
YWHAB	61.7716	71.6674	0.214372	0.646705
C19orf48	440.119	291.539	-0.594204	0.0285456
SLC25A20	4.54335	8.46715	0.89812	0.00274688
MAOA	0.0192576	0.00415159	-2.21369	1
CASC1	0.0162547	0.00348704	-2.22078	1
TRAM2	3.35149	4.00956	0.258641	0.576561
COMMD9	7.15451	8.86327	0.308987	0.449418
CHMP4C	57.2837	26.4187	-1.11656	0.00153868
TDRD5	0.506849	0.385003	-0.396685	0.66979
LOC100506469	8.25769	5.55746	-0.571312	0.879055
SNORD89	16.1704	9.92926	-0.703594	0.886331
NRGN	16.8593	22.7583	0.432849	0.297472
UBXN11	15.2432	10.8586	-0.489324	0.200495

METTL4	2.13339	2.04026	-0.0643916	0.953219
WIBG	21.8731	18.8045	-0.218081	0.695113
IFRD2	97.944	150.591	0.620603	0.0187307
RAPH1	0.875632	0.538307	-0.701894	0.0576107
OGFOD1	18.3395	23.0086	0.327221	0.347988
UBALD2	104.671	37.2669	-1.48989	0.00153868
PTPLA	5.02279	4.18342	-0.263807	0.704283
C12orf4	2.28147	2.01554	-0.178796	0.807498
LOC440173	0.0443016	0.0141136	-1.65027	1
ZNF747	7.73578	9.77294	0.337245	0.474338
PRR7	48.7887	59.4247	0.284516	0.814411
OTOA	0.0670157	0.0262484	-1.35227	1
UROD	171.048	166.39	-0.0398321	0.967664
AFAP1-AS1	0.00729641	0.00744906	0.0298723	1
DDX11	13.4542	14.7702	0.134632	0.843686
HNRNPA3	53.5688	59.9437	0.162216	0.771216
UCKL1-AS1	0.204086	0.185824	-0.135242	1
DLEU2	0.169319	0.224247	0.405346	1
LOC90784	3.55939	4.59354	0.367975	0.362482
EIF1B	70.8153	40.9699	-0.789497	0.00153868
TMEM206	13.3031	14.5587	0.130122	0.84703
KDEL1C1	5.64409	5.3103	-0.0879469	0.974348
ELOF1	128.552	178.533	0.47384	0.0987604
EFCAB12	0.138996	0.108085	-0.362877	1
COPZ2	7.808	5.4771	-0.511539	0.297411
DDX5	92.4305	87.7861	-0.0743778	0.92921
GALNT6	18.121	10.1888	-0.830682	0.00380811
BZRAP1-AS1	0.0712225	0.0533526	-0.416776	1
STAR	0.0900141	0.0638594	-0.495251	1
KPNB1	49.1249	47.7643	-0.0405224	0.967296
RPS6KL1	1.74176	1.85361	0.0897894	0.933845
ALG8	29.9569	29.1426	-0.0397567	0.981022
SIRPA	5.12077	6.56335	0.358072	0.353435
LRWD1	40.1106	69.4106	0.791171	0.0525851
MELK	12.1586	10.1388	-0.262092	0.565636
COMMD1	25.9813	32.0897	0.304635	0.4913
ZSCAN16	5.27548	3.52614	-0.581212	0.179887
ST6GALNAC4	326.564	603.761	0.886612	0.00153868
DMC1	0.0473651	0.0103898	-2.18866	1
TUG1	10.0374	8.08004	-0.312946	0.393394
C8orf37	0.732152	0.417579	-0.810093	0.128687
MPP4	0.0174549	0.0233468	0.419595	1
TRMT10B	3.12553	2.09904	-0.574368	0.178116
PRRT3-AS1	6.29912	6.39228	0.0211805	0.993173
SPTB	0.682019	0.256297	-1.41199	0.00274688
SUV39H1	11.1904	11.5177	0.0415991	0.967458
MTFR2	11.9733	10.4005	-0.203169	0.730014
MRPL41	674.141	756.281	0.165871	0.760891
ANTXR2	16.5065	13.1172	-0.331577	0.35044

POLR3H	24.8106	39.6751	0.677276	0.0324264
AURKAPS1	0.830438	0.652799	-0.347235	0.945887
ATP6V0D1	76.0259	95.8335	0.33404	0.342788
TRIM38	2.19434	1.23811	-0.82565	0.0103919
RBM45	6.09694	7.90793	0.375215	0.376508
GTF3C5	111.991	95.219	-0.234059	0.592157
TNFRSF12A	639.916	414.515	-0.626457	0.0181648
APOO	15.1125	12.6076	-0.261446	0.633194
EPHA2	96.6569	79.2548	-0.286374	0.464316
SLC16A14	3.14587	2.54727	-0.304507	0.525673
LOC645166	5.57998	7.23808	0.375347	0.624122
MRPL1	11.3482	13.3779	0.237386	0.653456
RPL26L1	97.7649	91.7171	-0.0921254	0.900639
STT3A	46.9053	40.9594	-0.195557	0.699944
DNAJC19	18.0548	13.1549	-0.456785	0.165129
CBX4	25.3358	16.7984	-0.592856	0.0351856
DDX43	0.0314666	0.0499503	0.666675	1
C12orf50	0.0211892	0.0203447	-0.0586743	1
ALYREF	147.773	209.96	0.506731	0.0691625
SGPP1	4.56379	4.34007	-0.0725139	0.945399
UBE2S	661.013	865.043	0.388094	0.245022
IGF2R	5.45784	3.48533	-0.647034	0.0163491
TPCN2	4.05748	2.74657	-0.562957	0.0956889
GLRX5	59.1103	90.3588	0.612256	0.0243026
LINC00471	0.203516	0.102668	-0.987152	1
PRPF3	10.734	13.6652	0.348329	0.336056
ADCK1	4.81853	5.04181	0.0653493	0.955425
SNRPA1	54.8224	68.5782	0.322985	0.37549
BCYRN1	28.7239	63.7334	1.1498	0.865084
SLC35F2	27.1795	27.5731	0.0207461	0.982866
RFXANK	51.2679	40.121	-0.353698	0.642563
XYLB	2.13926	1.39306	-0.618857	0.128171
LOC100128881	24.1808	32.4469	0.424216	0.623121
ZNF281	2.28325	1.28236	-0.832292	0.0253664
ADORA1	2.40667	3.4198	0.506874	0.293421
SLC30A7	2.73873	2.78316	0.0232151	0.981817
C16orf59	9.94984	12.7131	0.353568	0.453122
FAM225A	0.987225	0.541162	-0.86732	0.0451232
GPAA1	161.207	165.569	0.0385181	0.968712
KRT5	0.0641162	0.0738615	0.204133	1
SPACA4	0.106154	0.0853311	-0.315012	1
EDEM3	0.964387	0.895005	-0.107716	0.918875
PKD2	2.54567	2.09277	-0.282633	0.578405
TCTA	10.6827	8.17805	-0.38545	0.314399
ELOVL6	10.0454	12.1292	0.271958	0.50844
ANAPC13	41.2325	39.1776	-0.0737529	0.937886
LEPROTL1	13.1296	13.7587	0.0675167	0.975454
NDUFS8	217.11	185.519	-0.226857	0.612746
NPC1	12.4596	4.7424	-1.39357	0.00153868

PCNXL3	9.36295	15.3906	0.717017	0.00478151
CENPO	4.00099	6.27446	0.649135	0.492177
MON1B,SYCE1L	11.1407	9.37913	-0.248316	0.607733
SACM1L	6.24701	6.91484	0.146531	0.820658
HIST1H2BL	1.86369	1.90735	0.0334034	0.992298
SCARNA20	3.91922	2.06205	-0.926486	0.921691
TCF7	6.85598	5.74145	-0.255948	0.628907
MICALL1	26.9877	28.1971	0.0632422	0.943284
VIMP	50.3459	50.8759	0.0151063	0.989715
VPS9D1	2.39496	1.34182	-0.835808	0.825602
LOC440335	0.129334	0	#NAME?	1
SFMBT1	3.39031	3.4875	0.0407769	0.970185
C3orf52	7.50126	9.63699	0.361448	0.375852
CDKL1	1.07634	1.3834	0.362077	0.711465
PPP1R3F	0.700925	0.881683	0.330999	0.726583
PNO1	17.8079	32.9015	0.885637	0.00153868
CCDC137	31.8879	50.1364	0.65285	0.0117316
CYP26B1	1.19854	0.917948	-0.384794	0.566136
UPF3B	5.94369	5.38942	-0.141229	0.848653
ORC5	24.8393	22.7207	-0.128619	0.837065
MYBL2	17.9795	21.0197	0.225391	0.632012
ABCA1	0.0197682	0.0197821	0.00102044	1
AOC2	2.48557	3.32487	0.419721	0.425272
ZC3H12C	0.993463	0.877949	-0.178328	0.808127
SNORD47	552.791	474.839	-0.219296	0.98206
GTF3C6	72.5615	111.713	0.622526	0.0117316
NUP88	30.2502	22.6914	-0.414795	0.802621
NUDT9P1	0.255834	0.0827955	-1.62758	1
WDR78	0.291882	0.0713247	-2.03291	1
OSGEP	35.9431	27.837	-0.368714	0.276694
KIAA0825	0.0314659	0.0247963	-0.343665	1
PPP1R27	0.217997	0.0827083	-1.3982	1
ZNF622	39.7313	30.5079	-0.381091	0.236814
PBDC1	30.2122	34.3794	0.186416	0.723377
TMEM117	1.14938	0.977375	-0.233871	0.800869
C18orf8	11.4833	13.0303	0.182328	0.880121
UXS1	13.2031	15.9495	0.272635	0.524921
ATG4A	2.30243	4.02105	0.804416	0.0169799
VRK1	15.1361	17.4946	0.20891	0.695422
TBPL1	10.0626	9.78277	-0.0406878	0.973099
GRASP	0.605761	0.481576	-0.330984	0.845494
HIST2H2BC	7.02389	7.95603	0.179779	0.902666
TRAF1	1.04413	0.702091	-0.572567	0.296127
APITD1,APITD1-C	11.4092	15.0161	0.396309	0.339476
LOC100132077	0.190178	0.129316	-0.556444	1
DHX34	13.9605	22.5034	0.68879	0.00739414
NDUFB9	737.894	727.612	-0.0202438	0.983243
CHRM5	0.03234	0.010695	-1.59639	1
TACC1	4.2255	3.89573	-0.117226	0.872122

SCN1B	5.49599	3.58966	-0.614534	0.227806
TEX22	0.302953	0.18587	-0.704802	1
C4orf32	5.36193	5.14261	-0.0602505	0.954167
TSR2	32.5683	33.3585	0.0345842	0.973295
HIST1H2BK	44.8921	133.943	1.57708	0.00153868
UBB	1325.51	1574.6	0.248438	0.586793
ENPP6	0.0317951	0.0194205	-0.711222	1
PCNT	2.54635	2.01184	-0.339913	0.396333
C17orf82	0.429033	0.322122	-0.413482	0.891012
NPHP1	1.27265	0.615557	-1.04787	0.0176564
RNF187	74.8023	53.5353	-0.482592	0.0824065
ZNF462	1.15183	0.572083	-1.00964	0.00153868
GOLIM4	0.846129	1.41263	0.739436	0.127176
ABRACL	105.639	94.2251	-0.164964	0.764456
PSMB7	331.543	297.51	-0.156259	0.831834
FADS3	84.2444	66.2845	-0.345909	0.318863
BAHCC1	1.50422	1.24848	-0.268841	0.67663
APMAP	64.4522	64.9075	0.0101568	0.994058
FZD1	2.06552	1.61252	-0.357185	0.559245
RFC4	32.8795	28.3173	-0.215505	0.933736
SLC22A20	0.187579	0.134404	-0.480919	1
ADAT3,SCAMP4	50.4829	55.9409	0.14811	0.836427
PCYT1A	7.59037	9.17257	0.273156	0.604499
MRPL20	180.155	232.819	0.369969	0.318664
CPA4	0.018816	0.0209241	0.153209	1
MIS18A	18.4793	20.2826	0.134333	0.845932
SLC16A6	0.661973	0.329877	-1.00485	0.159847
THEM4	4.78963	5.51798	0.204225	0.702786
CECR7	1.27116	1.42891	0.168772	0.881102
JMJD4	22.2199	27.9303	0.329982	0.584417
AAK1	1.15853	0.830179	-0.480802	0.143064
RAP2B	17.4588	12.0456	-0.535454	0.0588451
GALNS	10.9876	9.23298	-0.251011	0.619728
TMEM41B	34.5469	27.6961	-0.31887	0.472728
TAPT1-AS1	0.338534	0.031952	-3.40532	1
TMEM254	2.42664	1.12461	-1.10954	0.00739414
TAF15	90.5099	75.5204	-0.261208	0.536934
BAK1	65.3326	85.3552	0.385677	0.239661
HAT1	29.7674	30.2119	0.0213845	0.982705
DIAPH1	13.1949	16.1731	0.293617	0.442926
FAM86A	14.3232	18.7339	0.387297	0.464031
ZC3H12D	0.029695	0.0245401	-0.275077	1
MTOR	3.51242	3.4844	-0.0115525	0.992312
DNAJC6	2.05217	1.51902	-0.434011	0.276302
SLC35B1	52.8682	64.8333	0.294336	0.440614
PSMD9	43.5503	50.7912	0.221896	0.623241
SOCS2-AS1	0.722526	0.535942	-0.430971	0.969614
SLC24A6	12.6814	11.973	-0.0829308	0.923685
EMC10	41.7919	53.114	0.345867	0.336576

TSPAN7	1.06454	0.501853	-1.0849	0.0741309
TRMT6	12.7238	16.0644	0.336329	0.358817
MKNK2	63.5713	54.6297	-0.218692	0.653569
FIGNL1	3.16969	2.48198	-0.352853	0.433036
LMOD1	0.184887	0.0723649	-1.35328	1
NDUFS6	157.67	213.943	0.440316	0.147598
ALG1	6.69257	7.84418	0.229062	0.800413
GRIN2C	0.15471	0.143114	-0.112401	1
LRIG1	2.82319	2.9458	0.0613351	0.977867
SHOX2	0.18683	0.100309	-0.897277	1
FAM166B	1.22465	0.307529	-1.99357	0.664469
IQCD	0.219141	0.117212	-0.902732	1
C19orf25	40.185	37.9685	-0.0818527	0.922274
ATG3	39.3189	28.4818	-0.465185	0.126213
WAS	0.221273	0.0642909	-1.78314	1
AMMECR1	1.58001	1.39134	-0.183459	0.802799
MAGOH	88.6609	111.568	0.331554	0.515192
ATP6V1H	43.9851	26.624	-0.724289	0.00274688
DKFZP434A062	0.0183255	0.013847	-0.404282	1
KIF26A	3.10813	4.6827	0.59129	0.0847952
LOC729603	0.311128	0.189401	-0.716065	1
FABP5	325.264	557.638	0.77772	0.00153868
ABCB8	6.98774	7.27397	0.0579161	0.952539
ACER1	1.26426	0.718304	-0.815628	0.349617
GIPC1	171.671	174.155	0.0207233	0.983529
ABCD1	15.1257	20.2847	0.423392	0.193021
FAM86HP	1.55957	0.326432	-2.25629	0.00153868
ALG10	1.47136	1.07339	-0.454979	0.406256
SIRT6	34.9156	34.2564	-0.0274953	0.978818
KCTD13	13.3148	8.01533	-0.732197	0.030086
GOLT1B	11.4386	10.343	-0.145252	0.81114
SCAMP3	58.6057	72.4077	0.305103	0.412216
ALDH16A1	14.4244	17.1239	0.247496	0.599713
ZNRF3	1.7709	2.37071	0.420834	0.304772
GAN	0.27356	0.252056	-0.118117	1
PNP	98.6508	148.711	0.59211	0.0285456
GRIN2D	23.3506	19.3994	-0.267452	0.525673
YDJC	145.137	161.267	0.152038	0.790786
SYTL4	1.04535	0.926757	-0.173719	0.861337
ZFP69B	1.3509	0.770077	-0.810842	0.115142
ETV3	0.482146	0.443067	-0.121945	0.954501
TBC1D3P1-DHX4	0.419972	0.11649	-1.85009	0.147823
CDC6	10.3101	16.689	0.694842	0.00659556
CDC123	179.511	204.87	0.190638	0.787792
MRPL28	132.366	127.635	-0.0525156	0.95389
SDHAP3	4.30666	3.35404	-0.360672	0.609395
LOC439994	4.10204	3.63263	-0.17533	0.952612
POU2F2	0.104174	0.155719	0.579956	1
ADCY7	8.35471	7.16979	-0.22066	0.644608

CANT1	29.329	27.7737	-0.0786085	0.922274
RUVBL1	63.558	59.6738	-0.0909757	0.900642
ZNF598	51.8221	46.0492	-0.170389	0.752083
UBLCP1	11.5348	12.5757	0.124651	0.860592
MANSC1	4.2823	2.17733	-0.975828	0.00897284
SMURF2	100.504	86.0673	-0.223722	0.629512
ZNF573	0.197011	0.115384	-0.771831	1
H1FX	267.771	133.01	-1.00946	0.00153868
MSTO1	9.96631	15.0334	0.593041	0.0467998
G6PC3	87.8029	66.4205	-0.40264	0.201817
LCLAT1	3.34144	4.03133	0.270787	0.570778
LOC100505687	4.31513	3.15985	-0.449548	0.369979
SLCO5A1	2.81106	2.44745	-0.199837	0.789799
DNAJB9	11.2871	7.23326	-0.641952	0.0264621
TYW1	5.07003	4.4131	-0.200203	0.733653
GCH1	8.30667	16.1654	0.960564	0.00153868
ATXN7L1	1.52991	0.935454	-0.709711	0.249717
TMEM160	69.9154	79.9542	0.193565	0.765759
TXNRD1	30.5979	36.9757	0.273144	0.503694
MYH15	0.197742	0.111827	-0.822347	1
INPP5K	17.5671	9.46113	-0.89279	0.00153868
GLT25D1	68.2605	75.1826	0.13935	0.821638
SHISA9	1.19631	0.978018	-0.290664	0.640258
ATAD3B	57.6216	129.969	1.17349	0.00153868
SLC37A1	7.89757	10.0262	0.344292	0.38574
SLC27A2	16.5773	11.574	-0.518318	0.0874559
TMEM169	0.0330952	0.0143449	-1.20608	1
SNF8	103.021	96.5534	-0.0935419	0.896541
PYCR2	80.7204	75.2146	-0.101921	0.88321
APOBEC3A,APOE	21.8445	11.317	-0.948781	0.00153868
CNPY2,PAN2	134.047	136.864	0.029997	0.976411
C1orf122	83.0044	135.647	0.708593	0.143573
EMC8	36.0731	49.386	0.453177	0.131988
SNRPA	179.657	51.667	-1.79793	0.00153868
CLSPN	1.12121	2.01795	0.847834	0.00380811
TNFRSF10B	45.148	34.4834	-0.388759	0.298867
HSPA9	228.639	168.904	-0.436867	0.171199
SSSCA1	84.4278	113.913	0.432147	0.188723
KLHDC9	0.244498	0.0316554	-2.9493	1
GPR157	0.264869	0.218007	-0.280906	1
TMEM55B	35.7437	33.3095	-0.101756	0.890226
EHD1	39.1927	53.6218	0.452234	0.123296
DNAJB11	28.711	43.8947	0.612443	0.0238313
ODC1	271.309	332.855	0.294958	0.46688
ZDHHC24	46.8891	32.8842	-0.511859	0.124445
MLF1IP	12.5007	6.49021	-0.945668	0.00153868
MROH6	5.34795	6.05199	0.178426	0.8212
PSG3	0.0381281	0	#NAME?	1
GPR114	2.70277	2.60278	-0.0543888	0.964843

SLC9A8	4.06403	2.95029	-0.462053	0.201968
PIPSL	0.0132661	0.0104531	-0.343819	1
ZSCAN12P1	0.956208	0.590517	-0.695347	0.156107
BCL2	2.22297	1.24823	-0.832603	0.331364
SNRPC	139.636	156.19	0.161629	0.773721
TICRR	4.89328	3.70256	-0.402277	0.529942
LOC100188947	0.155093	0.146692	-0.0803402	1
AKT1S1	64.566	64.908	0.00762124	0.994593
RHBDD1	3.94724	2.14819	-0.877721	0.00380811
ZMYND12	0.315036	0.0616924	-2.35235	1
MRS2P2	0.0243597	0.0213156	-0.192587	1
TCHP	5.60119	5.73896	0.0350568	0.975492
EIF5A	1160.51	1553.24	0.420524	0.21663
MBNL3	0.40197	0.206108	-0.963684	0.0163491
RIBC1	0.779894	0.388094	-1.00687	0.234031
LRRC66	0.0715295	0.0167373	-2.09548	1
FAIM	9.74239	10.3704	0.0901304	0.933369
SEL1L	4.7692	3.25611	-0.550598	0.0504359
RBBP8	5.51434	6.34809	0.203134	0.726595
RBM15	5.39225	4.78675	-0.17184	0.804404
TRIM7	15.6884	20.3652	0.376407	0.438784
SIX5	14.8671	8.4572	-0.813874	0.00478151
CORO2B	3.38241	4.15933	0.298297	0.566745
FLJ33630	1.29353	0.530839	-1.28497	0.00274688
CNKSR3	1.89792	2.43696	0.360664	0.502308
MUC1	4.89726	3.17816	-0.623783	0.197245
CECR2	0.0480122	0.0367465	-0.385793	1
DHRS7B	13.6224	10.4169	-0.387053	0.292
WDFY3-AS2	0.29629	0.15373	-0.94661	1
SOBP	0.733661	1.15672	0.65686	0.133573
CC2D1A	23.0103	23.5548	0.033737	0.975063
KPNA2	119.653	175.268	0.550706	0.0512103
LOC100506083	0.355037	0.162178	-1.13039	1
TPRA1	59.4719	45.355	-0.390946	0.227806
CPLX1	6.87911	12.4464	0.855439	0.0137404
PSENN	111.195	96.8918	-0.198641	0.703227
PIP5KL1	30.7502	33.3332	0.116365	0.886331
IFI16	52.2768	30.1614	-0.793469	0.00274688
IGFLR1	3.57178	2.93223	-0.284648	0.780035
AGTRAP	94.7712	57.5273	-0.720202	0.00274688
TSSC4	46.6818	63.7599	0.449789	0.140686
THAP7-AS1	3.79844	2.67349	-0.506681	0.828851
MFNG	0.125437	0.0322272	-1.96062	1
TMBIM6	364.922	266.915	-0.451206	0.156345
FOXN3-AS1	2.58152	1.20325	-1.10129	0.563423
CD97	31.9776	21.0845	-0.600878	0.0204286
NIPAL2	0.313204	0.215273	-0.540936	1
COL5A1	0.00833671	0.00160626	-2.37577	1
DIS3L	5.17104	3.57733	-0.531571	0.0987604

TRPV2	1.0493	0.264671	-1.98715	0.00820276
ZNF771	14.5716	8.66686	-0.74958	0.0732377
HERPUD1	64.4168	14.9082	-2.11133	0.00153868
C12orf44	79.5187	92.203	0.213519	0.646322
PLAUR	143.164	120.589	-0.247564	0.566136
NAPA	52.8674	61.0581	0.207805	0.677271
PVRL1	11.5349	16.5861	0.523967	0.226921
FAM86EP	0.99539	0.618169	-0.687259	0.220205
SHMT2	380.631	229.263	-0.731386	0.00380811
NRXN2	0.151091	0.0248349	-2.60498	1
TMEM40	0.147575	0.0680523	-1.11673	1
CEP97	0.634743	0.490847	-0.370898	0.595959
TECTA	0.0594511	0.048398	-0.296756	1
ETF1	41.6902	52.4457	0.331116	0.359372
RYR3	0.00705282	0.0113323	0.684163	1
COL18A1	3.50626	4.66283	0.411274	0.304421
SLC33A1	5.13917	3.45183	-0.574175	0.107753
ZNF37A	2.44492	3.98239	0.703847	0.0117316
FLJ42627	3.00547	1.71256	-0.81144	0.00820276
LCT	0.0168322	0.0161469	-0.0599646	1
DIRC2	12.7706	4.43593	-1.52551	0.00153868
RNF126	98.7136	107.826	0.127384	0.844936
SCARNA9L	1.62325	1.45937	-0.153537	0.985712
KIAA0922	2.8397	3.39851	0.259166	0.609395
TMEM217	0.21253	0.233694	0.136956	1
C19orf40	2.78852	1.42159	-0.971989	0.0705331
HNRNPAB	183.424	320.188	0.803743	0.00153868
ENTPD7	4.02368	2.31023	-0.800478	0.303477
FOXP3	0.394527	0.257269	-0.616845	0.927568
MAFG	11.9127	11.3684	-0.0674778	0.937886
NOTCH3	0.203854	0.110006	-0.889947	1
RNASEH1	12.4426	12.7908	0.0398205	0.970533
EIF1	1004.74	407.038	-1.30358	0.00153868
HSPA13	7.85384	3.87911	-1.01767	0.00153868
HNRNPH1	93.3133	139.403	0.579106	0.0318822
UQCRHL	2.28524	1.64728	-0.47226	0.66768
PIGW	6.24985	11.146	0.834636	0.00153868
CD83	4.80471	5.80089	0.271826	0.61305
GPR137	17.664	14.2827	-0.306537	0.786894
HARS	46.607	57.0797	0.292429	0.516446
C17orf103	5.41537	2.85744	-0.922337	0.00153868
TNFRSF8	0.298605	0.0812915	-1.87706	1
HES4	98.5411	178.778	0.859369	0.00153868
ZNF407	1.00918	1.44341	0.516297	0.164242
RAPSN	0.123448	0.0140054	-3.13985	1
SPC25	17.6395	15.7829	-0.160449	0.804694
IFT46	9.37666	4.60789	-1.02497	0.00153868
ALOX12B	4.1154	1.24995	-1.71916	0.00153868
SNORD22	85.1951	60.0295	-0.505099	0.95674

KIAA0101	28.3849	15.3245	-0.88929	0.00153868
AHRR,PDCD6	121.4	121.431	0.000364699	0.999274
ATP6V1E2	2.89107	1.56891	-0.881839	0.0351856
GADD45B	80.9688	33.8428	-1.25852	0.00153868
MRPS28	51.8466	60.2003	0.215519	0.66625
SGK494	0.721775	0.548465	-0.39615	0.966738
SOX15	0.38107	1.01388	1.41176	0.879376
MDF1	37.5497	40.7156	0.116777	0.86876
INTS7	4.20459	4.54938	0.113707	0.94587
IQCE	1.42339	2.12262	0.576513	0.113276
GPR35	0.474385	0.454703	-0.0611353	0.981543
NR4A1	16.2773	7.52802	-1.11252	0.00153868
ASAH2	0.0841805	0.0543551	-0.631071	1
SERPINE2	1.47636	1.75028	0.245535	0.777535
LCTL	0.653574	0.703379	0.10595	0.981441
PDCD11	12.9355	16.1142	0.316993	0.390958
C9orf91	10.9899	6.60675	-0.734162	0.00380811
CYB5RL	0.541713	0.351137	-0.625495	0.379552
BLZF1	1.38891	0.999172	-0.475153	0.436615
SLC43A1	33.4593	16.4789	-1.02179	0.00153868
ST7L	4.47784	2.42479	-0.884943	0.00739414
ETV2	0.475889	0.682368	0.519924	0.72151
NMI	11.9802	14.196	0.244826	0.622994
DGCR9	0.0672414	0.0376507	-0.836673	1
U2AF1	232.849	263.251	0.177049	0.740498
C16orf86	0.235315	0.162251	-0.536364	1
NLRP1	0.520135	0.0881623	-2.56065	0.00153868
ANKRD1	0.300644	0.0358051	-3.06982	1
PCDHB5	0.0382289	0.00426321	-3.16465	1
PLRG1	15.7928	10.966	-0.526236	0.055778
NEU3	0.473032	0.515036	0.122733	0.944779
FLJ42875	8.48099	4.62184	-0.875766	0.132824
IDH1	16.2505	11.8906	-0.450665	0.159184
MON1A	13.9935	28.8408	1.04335	0.00153868
CHAF1A	15.2472	19.9227	0.385872	0.241705
SYNE1	0.0121779	0.00414163	-1.556	1
TCTEX1D4	0.0944711	0.161923	0.777363	1
DGKZ	31.4072	39.5633	0.333068	0.351761
RHBDD3	27.1982	23.2365	-0.227117	0.656667
TBXA2R	4.05929	2.25633	-0.84725	0.0592362
UNC50	34.0485	30.7958	-0.144858	0.818547
PSME3	45.3949	72.0318	0.666106	0.00970147
TMEM185B	14.415	14.9053	0.0482475	0.960125
SNHG7,SNORA17	622.979	368.256	-0.758475	0.270224
ARC	8.04452	9.02697	0.166235	0.820487
PVR	20.608	21.1811	0.0395754	0.967343
AMIGO3	3.80593	5.06395	0.412015	0.838978
UBAC2-AS1	0.467393	0.236016	-0.985748	0.941368
CRY1	11.6831	9.80032	-0.253521	0.588516

GDPGP1	1.28833	1.356	0.0738512	0.969826
RAD51C	25.0648	24.3193	-0.0435615	0.969077
APOL2	5.7161	10.1454	0.827721	0.00274688
ST7	12.3795	13.4389	0.118465	0.877848
TRAPPC10	3.25522	3.65639	0.167667	0.783706
C1orf159	17.1365	21.8864	0.352966	0.382703
MTHFD1L	43.2165	33.4126	-0.371191	0.463511
LOC145783	0.22247	0.0992941	-1.16383	1
ARHGAP27	4.69855	3.16882	-0.568267	0.48457
ATF7IP	2.89569	1.28418	-1.17305	0.00153868
GYS2	0.0178951	0.0405288	1.17938	1
FBF1	1.69655	1.1303	-0.585903	0.249115
KDM8	0.620675	0.880951	0.505224	0.525673
VPS33A	9.8958	8.90188	-0.152706	0.810133
LOC100131096	1.35737	0.807125	-0.749954	0.454256
PCDH1	6.54269	4.15261	-0.655864	0.0347593
GBAP1	2.05031	0.858382	-1.25615	0.608533
PIM3	56.4829	49.6274	-0.186678	0.723759
WDR81	14.6304	15.7247	0.104068	0.89301
SUSD2	0.111741	0.0676553	-0.723884	1
MYCL1	4.91276	2.6764	-0.876239	0.0143403
PODNL1	0.203439	0.10065	-1.01525	1
GAB3	0.0141585	0.00362862	-1.96418	1
HBA1	0.456325	0.328939	-0.472242	0.89785
TRIM72	6.10358	4.00561	-0.607635	0.178116
XRCC3	14.0465	19.2818	0.45703	0.491072
ILKAP	40.1083	43.1618	0.105854	0.882208
PFDN1	135.509	143.889	0.0865606	0.908794
TCTEX1D2, TM4S	119.036	46.5938	-1.35318	0.00153868
SNORA14B	12.8508	6.45148	-0.994158	0.930356
PKD1L1	0.114832	0.0595405	-0.947582	1
LOC646762, ZNRF	2.62396	2.09489	-0.324866	0.492924
C16orf52	1.72396	1.39907	-0.301259	0.604499
ATP6V0C	320.772	362.88	0.177945	0.73523
TMEM57	6.35065	4.29302	-0.564912	0.0605998
SPATA6L	0.779568	0.422513	-0.88368	0.489743
FLYWCH1	21.7885	15.0823	-0.53071	0.0561838
NEK8	1.12106	0.815384	-0.459308	0.527665
ESAM	11.0168	5.36426	-1.03826	0.00153868
PRRG2	1.27536	0.813244	-0.649142	0.447191
POLA1	2.86183	1.9783	-0.532675	0.103663
EIF3A	38.8631	40.151	0.0470361	0.960832
GPSM3, NOTCH4	0.295371	0.185958	-0.667554	1
DDX46	6.98585	7.81833	0.162423	0.770109
RBM14, RBM14-R1	126.756	125.062	-0.0194065	0.988088
MED8	23.9702	20.8965	-0.197977	0.699003
CDH20	0.311144	0.344265	0.145933	1
JAGN1	38.9242	31.6209	-0.299789	0.433036
PXK	2.46546	1.7258	-0.514591	0.330706

SNX29	0.757402	0.551905	-0.45664	0.375852
ENOX2	1.5766	1.59177	0.0138159	0.993157
ABTB2	3.12594	4.79948	0.618588	0.0564873
SNORA25	3.35648	9.2567	1.46355	0.746509
ANKRD61	0.145232	0.110785	-0.390594	1
EIF2AK2	2.85853	3.07851	0.106957	0.900837
SLC38A10	30.0037	18.1247	-0.727185	0.00478151
DERL2	35.0534	33.6673	-0.0582069	0.949913
SYNE4	0.221728	0.0890159	-1.31666	1
TMEM2	0.639599	0.62865	-0.0249098	0.985739
LOC387723	1.17333	0.733313	-0.678107	0.276711
TIMM44	35.7287	32.4394	-0.139336	0.818547
GATM	0.528992	0.139265	-1.92542	0.0484091
SRPRB	29.8186	39.718	0.413582	0.180192
VPS45	7.05385	6.31378	-0.159906	0.809535
ZBED3	1.14513	0.793801	-0.528659	0.74734
MBTPS2	3.53589	1.88949	-0.904077	0.00739414
WNT2B	1.19693	0.440357	-1.44259	0.00739414
GPATCH4	27.5159	49.1637	0.837331	0.00153868
RBM26-AS1	0.359732	0.167858	-1.09968	1
HSPBP1	51.3326	61.4985	0.260674	0.527683
CEL	0.949596	0.697454	-0.445217	0.630883
HBEGF	36.4224	39.7729	0.126959	0.844499
PYCR1	266.716	200.557	-0.411289	0.199011
IFI30	68.0136	86.8858	0.353298	0.306371
SOAT1	4.89651	4.54386	-0.107837	0.886331
FLJ37035	0.126283	0.0632684	-0.997108	1
LOC100133161	0.142853	0.0638717	-1.16129	1
ATP6V0A2	1.42847	1.61683	0.178693	0.805008
LINC00662	0.87243	0.478137	-0.867616	0.193021
PPCDC	7.8312	5.3527	-0.548968	0.123524
CYCS	29.2558	55.3437	0.919695	0.00153868
BUD31	83.2057	75.2928	-0.144171	0.951272
STAG3L1	0.0514534	0.0659073	0.357173	1
DTX2P1-UPK3BP	0.4732	0.522163	0.14205	0.952184
ETV5	16.0772	11.3633	-0.500644	0.0897828
PPP1R16A	49.4022	63.9176	0.371637	0.255101
RHOB	38.8098	27.5638	-0.49365	0.0973224
SNORD15A	7.57294	6.44925	-0.231722	0.979338
SLC7A10	0.216536	0.211812	-0.0318227	1
SMA4	0.599109	0.332434	-0.849749	0.244755
LBX2-AS1	10.9736	5.80485	-0.918711	0.077894
ARMC9	3.82154	2.97151	-0.362958	0.525673
TMEM194A	7.90529	4.07991	-0.954283	0.00153868
SRA1	42.017	46.4084	0.143414	0.8146
PTRH1	98.4459	93.6003	-0.0728177	0.934411
ARPC5L	137.934	226.09	0.712921	0.00153868
DNAJC9	48.1669	58.9931	0.292506	0.442213
SPOCK2	0.0313495	0.00997053	-1.6527	1

ABCF2	69.6819	108.608	0.64028	0.0103919
CHPF	59.5534	69.4737	0.222284	0.628907
SUV39H2	7.55479	10.9905	0.540788	0.0691625
UQCRBP1	0.0343785	0.0363423	0.0801407	1
FAM172BP	0.324818	0.0934577	-1.79725	1
GAS2L3	0.501365	0.166631	-1.5892	0.0329313
S100A2	1397.19	1269.72	-0.138014	0.842721
MCM7	196.13	157.138	-0.319777	0.483798
SLC7A7	0.250802	0.124757	-1.00743	1
SEPHS2	68.8438	69.6185	0.0161443	0.987173
EML5	0.216479	0.323173	0.578082	1
VTI1A	5.23914	4.41673	-0.24635	0.627562
TMEM205	130.663	105.107	-0.313993	0.403929
POLR3B	1.36473	1.42975	0.0671501	0.971088
TMEM180	6.90071	6.64308	-0.0548934	0.961218
MGC21881	1.40212	1.14291	-0.294894	0.717439
OSTM1	4.562	3.97026	-0.200431	0.727043
TMTC2	0.217617	0.183907	-0.242816	1
DDX49	47.4318	59.0047	0.314974	0.381513
FMNL1	0.0367059	0.0140312	-1.38737	1
RBMS1	0.170996	0.0897117	-0.930593	1
JOSD2	68.8958	45.9208	-0.585267	0.0487873
TNNC2	0.351878	0.323527	-0.12119	1
GLT25D2	0.826927	0.216515	-1.9333	0.00153868
KLHL10	0.0820014	0.019133	-2.09959	1
HUNK	0.575719	0.879932	0.612027	0.159847
ERH	322.7	315.582	-0.0321759	0.974593
MEIG1	0.308553	0.306486	-0.00969576	1
NAGK	17.8579	17.1278	-0.0602253	0.950837
ALMS1	0.764926	0.521544	-0.552531	0.130345
TESC	64.1801	66.3563	0.0481085	0.960032
SLC2A6	23.3792	44.8687	0.940484	0.00153868
FXD7	0.286499	0.261064	-0.134125	1
GRAMD1B	0.0962583	0.0172838	-2.47749	1
CCDC103	2.23841	2.30875	0.0446422	0.976134
FAM173B	2.05269	2.45436	0.257835	0.699755
LDLRAD4	0.057026	0.0480537	-0.246974	1
C21orf67	1.79583	1.08256	-0.730197	0.318494
CDCA5	40.9905	44.0343	0.10334	0.883207
LRRC16B	0.478441	0.230385	-1.05429	0.0907094
TOR1A	52.1962	54.4469	0.0609055	0.943825
LRR1	19.8045	27.136	0.454381	0.246196
GUSBP1	3.48567	3.32652	-0.0674187	0.964442
CPO	0.0227032	0.0400033	0.817222	1
CAMTA2	25.794	13.8975	-0.892206	0.00153868
LINC00035	0.442669	0.214057	-1.04823	0.704317
KLC2	44.5271	60.6304	0.445359	0.133324
SAT1	165.263	102.722	-0.686018	0.00274688
ABHD8	12.5471	8.24202	-0.606283	0.0955341

C19orf44	2.51891	2.6751	0.0867968	0.978016
LBX2	8.10354	3.24358	-1.32097	0.246196
LNPEP	0.691321	0.591077	-0.226009	0.813283
CCZ1B	8.95258	7.38979	-0.276771	0.571768
DANCR	127.75	141.855	0.151101	0.793909
SLC13A1	0.0485951	0.0558486	0.20071	1
LOC100131691	0.401567	0.22414	-0.841241	0.916741
FAM179A	0.0207108	0.00945762	-1.13084	1
ANGPT4	0.0212305	0	#NAME?	1
SLC4A8	1.81313	1.28346	-0.498443	0.663122
HOXD4	1.06496	0.863301	-0.302857	0.843894
H2AFX	214.219	418.7	0.966831	0.00153868
LOC100507299	0.0376959	0	#NAME?	1
EPT1	5.15071	6.08366	0.240166	0.581567
CPT1A	12.6934	8.87642	-0.516027	0.0637721
TYW1B	1.37214	1.38957	0.0182102	0.991446
HYDIN	0.131041	0.069688	-0.911031	1
STK4-AS1	0.0730235	0.0424639	-0.782126	1
CXCR5	0.0142517	0.00557501	-1.35408	1
SAMD13	0.270531	0.0784111	-1.78666	1
ERN1	0.211113	0.173384	-0.284045	1
BCL2L12	54.1121	55.1072	0.0262904	0.985956
DGAT2	7.21597	6.68421	-0.110436	0.894574
NID2	0.0672307	0.0688144	0.0335906	1
SERPINA1	0.0455837	0.726607	3.99458	0.00153868
IARS	98.1999	63.3888	-0.631494	0.0143403
AIG1	40.5476	20.3985	-0.991155	0.00153868
CNFN	6.11502	5.67203	-0.108491	0.955005
CLN6	65.8863	65.9147	0.000622791	0.999234
LRRC6	1.00648	0.598064	-0.750943	0.194881
RDH10	5.83625	8.8688	0.603697	0.0338188
SLC16A11	0.384944	0.187758	-1.03578	0.535586
MYCT1	0.0404675	0.00354724	-3.51199	1
COMMD4	157.5	140.143	-0.168453	0.756508
KLF6	10.5783	6.03176	-0.810459	0.00153868
LY6G5C	2.99639	2.04481	-0.551258	0.474408
RPL13AP3	0.0214957	0.0248282	0.207932	1
EMP1	72.6454	63.4676	-0.194852	0.704939
FES	0.685038	0.502064	-0.448313	0.644084
SHISA7	0.00652257	0.00501332	-0.379672	1
IDNK	4.07077	1.90616	-1.09463	0.0276283
ATAD3C	0.191733	0.142062	-0.432581	1
HIVEP1	0.294553	0.257591	-0.193447	1
SPEM1	0.650288	0.196133	-1.72925	0.186334
DPAGT1	30.6378	20.5922	-0.573218	0.0416082
USP49	0.128811	0.115506	-0.157283	1
ZWILCH	5.80026	5.79066	-0.00238963	0.998593
EIF2S2	123.408	89.3955	-0.465163	0.116756
LIF	32.6259	24.3557	-0.421757	0.159688

NARS	59.3331	40.7685	-0.541383	0.0564873
CCIN	0.0186305	0	#NAME?	1
TPGS1	29.8138	24.9211	-0.258612	0.69753
TNFAIP3	0.734918	0.556912	-0.400133	0.576342
EPRS	29.8418	15.0545	-0.987135	0.0103919
SLC52A2	137.85	209.582	0.604416	0.0294837
HOMER2	0.258105	0.0557776	-2.2102	1
SMAGP	218.353	178.575	-0.290134	0.568359
EPB41L4A	1.24036	1.35427	0.126756	0.899217
TRIM67	0.00424246	0.0074429	0.810962	1
PLEKHB1	0.0190746	0.0477866	1.32495	1
CABP4	0.0163324	0.0180686	0.145747	1
SLC22A11	0.0194491	0	#NAME?	1
C5orf28	4.12196	2.59965	-0.665015	0.0467998
ARSB	1.07937	1.71301	0.666351	0.186334
CLEC18A	0.218416	0.124052	-0.816133	1
BCDIN3D-AS1	0.143482	0.0888998	-0.690615	1
DDX39A	81.6827	108.983	0.416003	0.174815
CCDC64	1.70775	2.69725	0.659397	0.143064
PTPRG-AS1	0.0110564	0.0156918	0.505133	1
GRB10	10.522	5.41251	-0.959037	0.00153868
PTER	7.57872	3.07975	-1.29914	0.00153868
GOLGA6C	0.00484447	0.00489821	0.0159174	1
ARHGEF38	0.00861064	0.0135171	0.650593	1
LIME1	8.2251	11.3973	0.470587	0.35293
SERHL2	0.055609	0.144405	1.37673	1
TXNL4B	8.42389	6.9421	-0.279115	0.851768
SCARNA12	12.7508	11.9342	-0.0954872	0.992298
H2AFZ	559.732	646.18	0.207202	0.675661
LINC00597	0.0164297	0.0185355	0.173983	1
TAL2	0.395843	0.336617	-0.233821	0.945399
NAGPA	11.6149	14.0798	0.277656	0.568684
C10orf111	0.163776	0.224563	0.455396	1
NWD1	0.00430026	0.00810669	0.91469	1
APBB2	1.23536	0.859373	-0.523572	0.193396
CPEB3	0.206006	0.165015	-0.320084	1
DNASE2	53.5405	22.4937	-1.25111	0.00153868
ORC6	17.8886	26.7471	0.580348	0.0374759
PTK2B	0.601952	0.127394	-2.24035	0.00153868
HOXB4	7.53544	7.36146	-0.0336999	0.978031
LRAT	0.00530904	0.00199989	-1.40853	1
LOC100506233	4.44342	4.45671	0.00430597	0.998382
TCEA1	68.6355	37.3076	-0.879484	0.00153868
TM4SF20	0.00925555	0.0109813	0.246663	1
TSPAN1	0.429148	0.292133	-0.554853	0.664444
GPR143	0.0255341	0.00980028	-1.38153	1
ENTPD5	0.497537	0.276849	-0.845703	0.28126
KLHL29	4.48868	2.89465	-0.6329	0.0525851
LOC728392	0.808884	0.175982	-2.20051	0.0916618

IL18BP	1.50265	1.44588	-0.0555604	0.994204
SLC5A6	24.5318	46.3083	0.916618	0.0537703
EPHX4	7.9317	4.60934	-0.783071	0.0243026
RBM41	1.19451	1.27833	0.0978412	0.935829
THTPA	14.2246	12.0901	-0.234557	0.87663
PSMD6-AS2	0.221437	0.104647	-1.08137	1
FAM101B	0.207262	0.118217	-0.810019	1
C14orf142	8.35996	8.8075	0.0752363	0.975492
BEST3	0.771513	0.26353	-1.54972	0.00478151
PKDREJ	0.0189306	0.00261588	-2.85535	1
TNRC18	8.98047	7.16111	-0.326608	0.371281
CCDC170	0.0340758	0.010332	-1.72162	1
GK	1.57609	0.711543	-1.14732	0.00274688
LRRC48	0.329045	0.18143	-0.858871	1
KCNJ14	0.784238	0.880183	0.166513	0.901153
CORO6	0.0193178	0.0490023	1.34292	1
FAM107B	9.70867	6.53427	-0.571249	0.0491395
GPR68	0.436421	0.228403	-0.934137	0.239715
CDKN1A	100.557	115.205	0.196198	0.687986
BRWD1-IT2	0.82138	0.350679	-1.2279	0.234031
PGAM2	1.3651	0.302492	-2.17404	0.0625465
JDP2	8.79144	2.39131	-1.8783	0.00153868
UHRF1BP1	4.02935	1.97031	-1.03213	0.00153868
HP07349	3.55231	3.655	0.0411158	0.98877
NARFL	15.6103	14.4136	-0.115068	0.879418
ZCWPW1	2.15108	0.561682	-1.93723	0.557083
GRHL3	0.0305871	0	#NAME?	1
TREX2	0.617099	0.917392	0.572036	0.681816
LURAP1L	3.85176	0.717684	-2.4241	0.00153868
ADM5	3.54929	5.51068	0.634699	0.155896
SLTM	10.8387	11.332	0.0642148	0.944632
ZNF550	0.386624	0.356931	-0.115284	0.967343
GGT1	8.41021	3.96942	-1.08321	0.0832671
UBXN8	8.74104	8.33459	-0.0686925	0.947795
SLFNL1	0.0952823	0.236523	1.3117	1
FLJ40852	0.119588	0.0124771	-3.26072	1
SERPINB7	0.0401181	0.0363252	-0.143282	1
HSPBAP1	7.90644	3.57329	-1.14578	0.00153868
HES7	15.9094	18.0353	0.180948	0.784528
ISL1	0.241544	0.252937	0.0664939	1
LOC729732	1.56759	0.928778	-0.755146	0.271127
TRIM41	13.7832	9.41346	-0.550119	0.0691625
SORBS1	0.234654	0.121302	-0.951934	1
GGT3P	0.264864	0.211849	-0.322217	1
HES6	184.084	241.063	0.389043	0.222033
FAM134B	0.610924	0.320816	-0.929245	0.0871059
WDR45	53.6501	30.4525	-0.817018	0.00153868
SH3BGR	5.18886	1.59577	-1.70116	0.00153868
MCOLN1	13.141	16.6247	0.339249	0.41602

RNF223	0.249706	0.168194	-0.570104	1
CXXC4	0.0135448	0.00179629	-2.91464	1
LAMA1	18.1499	11.831	-0.617391	0.0264621
TAS2R10	0.0365852	0.0112686	-1.69895	1
NS3BP	2.19179	3.88588	0.826134	0.094542
SLC10A7	0.658388	0.491062	-0.423034	0.568442
CRNDE	24.3867	14.2828	-0.771819	0.0130226
SNORA8	50.9645	27.245	-0.903502	0.421947
ZC2HC1C	0.205175	0.185653	-0.144245	1
PMM2	25.8499	33.141	0.358459	0.291935
TARS	70.0685	57.9441	-0.274104	0.500234
FBXL18	2.20873	2.263	0.0350216	0.975928
LINC00638	0.354333	0.238936	-0.56848	1
CERS1	0.128667	0.0926207	-0.474232	1
EXO5	4.53617	5.36174	0.241228	0.673412
BFSP1	0.548765	0.309663	-0.825487	0.281986
TIPIN	9.36523	10.1101	0.110412	0.896977
LINC00622	0.212466	0.0656967	-1.69334	1
ACP2	12.6046	8.32215	-0.598926	0.0857306
LRG1	0.0749355	0.0634325	-0.240428	1
KLHL35	19.4089	9.13716	-1.0869	0.00153868
ATP5EP2	2.08413	2.17628	0.0624245	0.981543
MAF	0.0125189	0.00149302	-3.0678	1
HNRNPA2B1	205.026	197.158	-0.0564561	0.952184
SH2D3C	0.336817	0.115649	-1.54221	1
LOC100131347	0.0834629	0.0314613	-1.40756	1
EID3	0.319289	0.483014	0.597202	0.947923
C2CD2L	8.93365	11.7361	0.393636	0.295083
TSC22D3	16.5857	4.23156	-1.97068	0.00153868
SH3BP5L	124.893	111.339	-0.165734	0.761861
FAM180B	0.047465	0.0368713	-0.364364	1
TJP3	0.718999	0.144726	-2.31267	0.467566
LIG4	1.39425	1.78979	0.360302	0.495416
HEY1	4.04535	1.94649	-1.05539	0.00153868
GDPD1	4.94965	1.73372	-1.51346	0.00153868
FLJ33360	0.0566921	0.0479314	-0.242176	1
ZNF620	0.71483	0.443369	-0.689092	0.25491
AKAP6	0.0145225	0.00307578	-2.23927	1
RGS20	0.13661	0.0319751	-2.09504	1
C9orf117	0.678938	0.837321	0.3025	0.973011
SKA3	14.3354	13.6531	-0.0703592	0.967343
NRSN2	0.354474	0.111001	-1.67511	1
C5AR1	0.543874	0.314983	-0.788	0.342474
SLC16A10	1.70966	1.58404	-0.110099	0.926868
GGTA1P	0.203306	0.0569185	-1.83668	1
ZC3H4	8.53887	5.72848	-0.575894	0.0442243
CBX6	8.1316	19.912	1.29203	0.00153868
C9orf153	0.047672	0.0705285	0.565062	1
LRRN4	1.83278	1.08672	-0.75405	0.185874

TMEM199	10.1748	14.4	0.501064	0.147146
ZNF772	0.00415634	0.00888487	1.09604	1
C5orf38	8.3743	4.37493	-0.936708	0.0723025
LOC100287314	7.69561	3.36275	-1.19439	0.00153868
TFEB	2.15914	2.89178	0.421501	0.497598
POP1	6.96109	11.7956	0.76086	0.00274688
LNX1	0.173373	0.163073	-0.0883668	1
MPV17L2	20.1019	45.8568	1.18981	0.00153868
KIAA1656	0.647893	0.577286	-0.166471	0.97803
TVP23A	0.130737	0.0990801	-0.399999	1
NTSR1	10.8811	11.0466	0.0217842	0.983243
COL9A3	28.1235	11.0694	-1.3452	0.00153868
SCARNA6	0.339609	0.325573	-0.060895	1
PTGER4P2-CDK2	0.0775374	0.0647788	-0.259371	1
PTGDR2	1.29193	3.21644	1.31594	0.664697
C6orf52	2.37585	1.46501	-0.697536	0.403473
MAP2K3	79.6653	89.4093	0.166474	0.765267
KIF24	0.861025	0.504818	-0.770293	0.686715
PAPPA2	0.0366821	0.0179021	-1.03495	1
LAT	1.22005	1.59219	0.384067	0.677324
ATP6V0B	229.755	299.338	0.381678	0.252199
P2RY2	0.792207	1.84744	1.22158	0.00970147
CTSL1	164.664	137.056	-0.264759	0.533447
CHIC2	27.0949	12.1785	-1.15369	0.00153868
RCAN1	15.4653	11.3775	-0.442855	0.180946
CDC25A	7.2808	13.2167	0.860191	0.00153868
PPP1R15A	265.915	65.6618	-2.01784	0.00153868
ROBO3	3.71217	0.899115	-2.04569	0.00153868
C19orf45	0.914196	0.31275	-1.5475	0.0945421
APOM	5.19953	2.99703	-0.794845	0.935829
NPFF	1.77881	2.39474	0.428957	0.739148
CHD4	23.7034	20.4941	-0.209891	0.655692
GBA	20.3606	15.5517	-0.388711	0.245771
SLC38A7	2.75321	2.99704	0.122424	0.906423
CITED1	16.9737	24.2994	0.51762	0.170153
NBR2	2.65128	1.00219	-1.40354	0.0103919
CN5H6.4	0.16588	0.247855	0.579356	1
SPATA32	0.0655618	0	#NAME?	1
C2	0.162257	0.145373	-0.158519	1
ZNRF2	1.59554	0.884309	-0.851425	0.0592362
MAGOHB	4.71595	5.56274	0.238248	0.65671
DUSP18	0.544358	0.336744	-0.692901	0.387544
C16orf74	80.4666	37.4187	-1.10463	0.00153868
PAPPA	0.00464882	0.00177622	-1.38805	1
MYLK2	0.556227	0.795822	0.516771	0.514396
ZMPSTE24	10.0998	11.9382	0.241256	0.608991
DOLPP1	22.7535	24.7269	0.119993	0.862232
BTN2A3P	0.362355	0.313039	-0.211058	1
SLC35A2	22.1567	24.7976	0.162457	0.78932

ZFP36	18.2239	20.3203	0.157093	0.813006
SLC10A5	1.38293	1.1471	-0.269741	0.802089
TPH1	0.0118739	0.00567405	-1.06535	1
PFN1P2	0.45606	0.701373	0.620958	0.442926
RCAN3AS	0.258277	0.0561267	-2.20216	1
PRNP	43.0325	32.2147	-0.417708	0.172992
ESR2	0.0676956	0.0460491	-0.555889	1
NCOA2	0.3631	0.272253	-0.415419	1
LCE1C	0.185121	0.0550524	-1.74959	1
ISG20	74.4154	34.9232	-1.09142	0.00153868
FRMD8	15.3118	26.2642	0.77845	0.00153868
KPTN	5.11007	4.91619	-0.0558029	0.967343
PCSK7	11.1166	13.4183	0.271485	0.522524
GAS5-AS1	1.00767	0.525139	-0.940255	0.86835
LOC100287036	0.224853	0.0317307	-2.82503	1
TRPM6	0.0655814	0.0129463	-2.34075	1
LPP-AS2	0.523246	0.286204	-0.870446	0.811033
RMI2	8.45874	4.21598	-1.00458	0.00274688
TPST1	3.46092	2.66353	-0.377816	0.492079
STK40	18.9988	15.8141	-0.264701	0.524726
HMX3	0.80889	0.448978	-0.8493	0.635064
ZNF789	4.84951	3.73127	-0.378174	0.670912
KCNH8	0.0929156	0.0109321	-3.08735	1
CCDC151	0.828656	0.392684	-1.0774	0.134691
CCM2L	0.133128	0.023988	-2.47243	1
FEN1	26.1885	48.6577	0.893734	0.00153868
PSMG4	44.8265	33.8191	-0.406514	0.339924
PFDN2	375.13	334.991	-0.163267	0.827846
GRIA4	0.00373689	0.00318815	-0.229121	1
C1QTNF9B	0.413795	0.953487	1.2043	0.849345
ZDHHHC6	19.352	22.2135	0.198952	0.699003
ARMC5	10.0064	10.7271	0.100335	0.905839
METTL6	5.26897	5.14341	-0.0347949	0.975492
NFE2L1	28.6511	21.854	-0.390696	0.227684
AGA	3.85261	1.74943	-1.13896	0.00153868
ABCC5	7.59568	7.78514	0.0355454	0.975928
LONRF2	0.00168577	0.00219666	0.3819	1
SGPL1	9.16824	5.80512	-0.65932	0.00897284
H1FX-AS1	0.497689	0.520132	0.0636339	0.984547
IKZF3	0.0189996	0.00644678	-1.55932	1
DOHH	23.9879	37.6109	0.648848	0.0264621
GLDC	0.0227875	0.00799596	-1.5109	1
CCDC74B	1.54524	1.36962	-0.174059	0.910254
SH2D5	0.802366	0.398266	-1.01053	0.0756592
WBP2NL	0.00941275	0	#NAME?	1
PRSS22	15.0582	35.9227	1.25435	0.00153868
KIAA0754	0.366519	0.360313	-0.0246363	1
SEC14L1P1	0.324048	0.347207	0.099587	1
FOXD4	1.27602	4.3965	1.7847	0.00153868

GNAQ	0.960395	0.674734	-0.509308	0.489185
TP53I3	18.6974	14.1825	-0.398726	0.304772
CEBPB	137.924	44.5359	-1.63083	0.00153868
MXRA8	0.655681	0.287062	-1.19163	0.203478
FAM229A	3.14569	2.28812	-0.459214	0.739148
SNORA70	95.2094	58.6677	-0.698537	0.906339
STAP1	0.0129002	0.0261595	1.01994	1
SNORA72	23.1392	28.7336	0.312401	0.971528
MOB3B	0.604873	0.876992	0.535931	0.258403
RELL2	8.99259	6.60113	-0.446024	0.6565
SLC38A1	40.5764	24.7061	-0.715775	0.00274688
FITM1	1.26166	0.715965	-0.817359	0.429965
NAGPA-AS1	0.053609	0.0942111	0.813421	1
ZDHC14	2.13333	2.9379	0.461676	0.390613
MT1G	0.801085	0.367675	-1.12353	0.666451
LOC100131067	1.73178	0.824786	-1.07016	0.642802
PTPDC1	2.06275	0.741119	-1.47679	0.00153868
EIF4EBP1	457.24	242.231	-0.916565	0.00153868
SMIM13	3.66429	3.01451	-0.281607	0.547145
OLFM2	0.0777873	0.00853545	-3.188	1
LOC440896	0.202719	0.122771	-0.723512	1
HECW1	0.0891877	0.019002	-2.23069	1
FUZ	3.00204	2.41503	-0.313902	0.937188
TUBE1	10.7275	3.87839	-1.46779	0.00153868
CRMP1	3.60614	2.60315	-0.470195	0.29038
CDC45	20.8981	17.2696	-0.275137	0.533447
LRRC37A3	0.0795551	0.0398159	-0.998608	1
ADAMTS4	0.021252	0.00658605	-1.69011	1
S100A4	0.61476	0.7053	0.198215	0.946021
SLC10A4	0.0153267	0.0140725	-0.123176	1
CXorf58	0.0323484	0.0137485	-1.23442	1
FCGBP	0.0589119	0.0116617	-2.33678	1
CFP	0.414223	0.37932	-0.126991	0.957014
FBXO48	0.182505	0.169817	-0.103958	1
SNRK-AS1	0.334183	0.161134	-1.05238	1
RRN3P3	0.971983	1.35189	0.475976	0.519844
FHOD3	0.0424789	0.0784095	0.884283	1
PSCA	0.917082	0.173508	-2.40205	0.0663805
ZBED3-AS1	0.276108	0.0772064	-1.83844	1
CHADL	0.136787	0.106962	-0.354829	1
ATF6	10.9442	6.04529	-0.856281	0.00153868
ZNF382	0.115238	0.0549631	-1.06809	1
CDC42EP1	151.898	72.3344	-1.07035	0.00153868
GPT2	29.8815	15.3507	-0.96095	0.00153868
CIRBP-AS1	1.69268	2.70983	0.678889	0.932173
FAM46B	0.932324	0.137754	-2.75874	0.0192959
CYP4V2	1.48319	0.606695	-1.28966	0.00153868
NIT1	44.6496	14.5094	-1.62166	0.105057
CDCP1	34.5166	18.7162	-0.883003	0.00153868

FBXO16	0.992962	0.300626	-1.72377	0.0253664
ADAM21P1	0.0101362	0.00447049	-1.18101	1
XBP1	81.2988	30.4321	-1.41764	0.00153868
MCM10	4.8878	8.30491	0.76478	0.00153868
BCO2	0.0242307	0.0669867	1.46704	1
SPINT2	3.06767	1.04493	-1.55373	0.00153868
ERVFRD-1	0.0320341	0.0195207	-0.714601	1
GLRX2	26.4625	26.9393	0.0257621	0.981441
ZNF876P	0.108651	0.0356148	-1.60916	1
ITGA10	0.129639	0.150463	0.214913	1
LMO4	6.53716	2.37831	-1.45873	0.00153868
SPTBN5	0.0304798	0.028945	-0.0745368	1
CLIC4	31.1906	18.0206	-0.791465	0.00478151
ANXA1	360.937	321.188	-0.168327	0.764456
VPREB3	0.74045	0.588368	-0.331684	0.908098
BRC A1	4.99454	2.4602	-1.02158	0.00274688
ZNF688	7.80311	5.22833	-0.577698	0.230647
GCNT4	0.0319927	0.0222894	-0.521389	1
PRAF2	3.7867	1.69669	-1.15822	0.0181648
SPI1	0.111437	0.163542	0.553435	1
LOC400684	2.04027	0.863687	-1.24018	0.107075
ZNF672	217.326	195.415	-0.153318	0.785865
ADORA2A-AS1	0.0486416	0.0328544	-0.566106	1
CLIC2	0.130911	0.10583	-0.30684	1
ANKRD24	0.302189	0.0691818	-2.12699	1
CLDN23	0.942017	0.696711	-0.435193	0.684216
CCDC82	2.7715	1.78799	-0.632329	0.0987604
OR7E12P	0.0487422	0.0109349	-2.15624	1
ASIC3	1.56935	1.07986	-0.539324	0.482685
FAM69A	2.45699	2.72286	0.148231	0.975492
CYR61	278.024	69.4265	-2.00165	0.00153868
DRAM1	9.52013	5.99167	-0.668023	0.0150346
HYOU1	30.6519	32.9121	0.102639	0.884203
UCP3	0.251974	0.462194	0.875224	0.280619
LINC00623,LOC7:	0.905287	0.821278	-0.140505	0.941566
CLCN3	8.91536	3.70288	-1.26765	0.00153868
CCZ1	12.8787	11.4007	-0.175871	0.77012
ZNF655	30.7545	23.0929	-0.413348	0.463667
TENM3	0.217639	0.106585	-1.02994	1
PTPRR	0.393417	0.0265867	-3.88728	0.348791
CEBPG	27.4713	11.5948	-1.24445	0.00153868
SLC22A4	0.453522	0.700758	0.627744	0.808661
XRCC2	1.11	1.22058	0.137014	0.902819
TMEM9B-AS1	0.494893	0.217552	-1.18576	0.310422
SPNS1	35.9196	36.6674	0.0297255	0.977897
TIGD4	0.147981	0.0807966	-0.873047	1
STXBP5-AS1	0.0259361	0.0183459	-0.499501	1
SKOR1	0.559241	0.716102	0.356695	0.773721
FAM167B	1.04164	0.695704	-0.582308	0.648133

PCDH11X	0.00455904	0	#NAME?	1
NRP2	1.25657	0.943822	-0.412908	0.414974
YJEFN3	5.47503	4.22051	-0.375451	0.682341
LOC100131094	0.395447	0.517353	0.387664	0.872122
PHGDH	169.93	75.9215	-1.16236	0.00153868
LINC00659	0.599739	0.247601	-1.27632	0.444285
SNORA26	22.0987	9.81272	-1.17124	0.906305
POU5F1P3	0.070476	0.0265595	-1.4079	1
FKRP	4.70747	4.74181	0.0104865	0.998272
SPINK1	0.159055	0.0303407	-2.3902	1
SLC38A9	6.21008	3.71351	-0.74183	0.0204286
LOC100506195	0.0217313	0.00360905	-2.59008	1
HIST2H2BE	3.46779	3.20695	-0.112813	0.919777
SARS	242.279	120.232	-1.01085	0.00153868
AP4S1	0.929933	0.834912	-0.155501	0.949526
PRDM6	0.0704669	0.0645311	-0.126953	1
OSCAR	3.1007	1.16106	-1.41715	0.00274688
SLC43A2	7.04311	8.22232	0.223334	0.722089
LOC285626	0.0160958	0	#NAME?	1
SH3TC2	0.184373	0.0712075	-1.37252	1
NTRK1	0.0635752	0.0430933	-0.561	1
RAD51	10.0473	9.72675	-0.0467787	0.964843
TMEM138	23.4852	32.1719	0.454049	0.801574
KIAA1644	0.0558117	0.0309238	-0.851851	1
EXOSC8	48.3683	29.4989	-0.7134	0.0393841
STIM2	1.34613	1.85136	0.459765	0.285746
C4orf36	0.584733	0.2576	-1.18264	0.363127
FITM2	1.25476	1.81301	0.530979	0.581347
GIN53	7.67556	12.2813	0.678122	0.0204286
ZBED6	0.215794	0.193016	-0.160934	1
LOC158572	0.0444862	0.0914248	1.03923	1
C2orf66	0.283681	0.246972	-0.199921	1
TUBB1	0.119923	0.18396	0.617279	1
LPAL2	0.309706	0.209261	-0.565598	1
TTL11	3.10252	3.97247	0.356593	0.597216
LOC100133957	2.79654	5.65563	1.01604	0.820912
MIR17,MIR17HG,I	6.72018	7.80682	0.216235	0.817355
MYH3	0.271039	0.430218	0.666569	0.253087
ASB16-AS1	6.23186	4.10498	-0.60229	0.217777
TMEM198	3.04424	2.62032	-0.216338	0.822798
DPY19L2P2	0.0367448	0.0055893	-2.7168	1
SCGB1B2P	0.408428	0.351244	-0.217609	0.958155
LAMB3	128.511	32.4993	-1.98341	0.00153868
HINT2	39.3709	22.8516	-0.784837	0.0117316
KCND3	0.12725	0.0368257	-1.78888	1
GALR2	0.511094	0.57254	0.163787	0.961218
PABPC1L	8.52973	3.75728	-1.18281	0.00153868
C19orf38	0.609267	0.126062	-2.27294	0.134981
IFI6	4.53923	4.54222	0.000950324	0.999234

PDE2A	0.119092	0.0168636	-2.82009	1
CABLES1	2.184	1.9937	-0.131528	0.884758
MALL	0.0687198	0.058633	-0.229012	1
BATF2	0.796506	0.109664	-2.86059	0.0156935
ARHGFEF33	0.0153448	0.0297313	0.954237	1
YRDC	40.4667	46.8037	0.209889	0.795974
ARHGFEF2	64.2904	22.6419	-1.50561	0.00153868
SAMD15	0.129902	0.24169	0.895733	1
XXYLT1	4.85338	6.18839	0.350573	0.443225
KIAA1199	0.0737548	0.0502094	-0.554779	1
RCSD1	0.00839385	0	#NAME?	1
LRRC8D	8.46144	6.38795	-0.405551	0.233004
BCRP3	0.323951	0.331308	0.0323999	1
RND1	1.80797	0.957785	-0.916596	0.0943483
C11orf63	0.647008	0.332136	-0.962011	0.163304
CABP1	2.08481	1.96813	-0.0830937	0.961459
LOC100506060	1.56333	1.26351	-0.307185	0.735532
LMOD2	0.0104418	0	#NAME?	1
PADI3	0.0169359	0.00654934	-1.37067	1
PSPH	21.0898	8.1067	-1.37936	0.00153868
FRK	0.0259757	0	#NAME?	1
NIPAL1	0.164183	0.190271	0.212751	1
RAET1L	0.0347008	0	#NAME?	1
TSEN15	18.0446	10.4394	-0.789531	0.00380811
ALMS1P	0.0394686	0.0325866	-0.276426	1
HERC2P4	1.3781	1.07805	-0.354259	0.745262
ACTN1-AS1	0.0877097	0	#NAME?	1
COL5A2	0.0468755	0.0260521	-0.847438	1
AKAP3	0.322285	0.0957644	-1.75078	1
HIST1H2AJ	2.00965	1.07271	-0.90568	0.556775
SLC26A1	0.594512	0.531345	-0.162056	0.970185
FAM126A	0.0348009	0.00948572	-1.87529	1
LETM2	4.3091	3.88466	-0.1496	0.869722
RAB6B	0.536396	0.585708	0.126881	0.922867
CNKSR1	0.629786	0.771212	0.292266	0.806301
POU5F1B	1.49205	0.41452	-1.84778	0.00897284
SLC46A3	5.11983	8.62993	0.753251	0.0103919
AARS	55.9646	17.1165	-1.70913	0.00153868
SLC36A1	1.59806	1.94878	0.286251	0.612379
GPR156	0.0058464	0.00961863	0.718282	1
SPDYE8P	0.024267	0	#NAME?	1
FAM86FP	2.96649	0.828679	-1.83987	0.00153868
FCER2	0.377822	0.183085	-1.04519	0.330706
CEP41	1.94683	1.31149	-0.569918	0.15801
KIAA1324	0.246354	0.147949	-0.735635	1
C1orf189	0.211133	0.328235	0.63658	1
PTPRCAP	3.27419	0.816336	-2.0039	0.0181648
DSCC1	8.05518	11.6754	0.535486	0.0802776
FCRLB	0.652203	0.687897	0.0768723	0.975484

MTRNR2L3	0.120439	0.0578109	-1.05889	1
FAM215A	0.170014	0.0523954	-1.69814	1
CARD9	1.90026	1.722	-0.14211	0.918775
SLAMF7	0.487112	0.109914	-2.14787	0.00897284
LRRN4CL	0.178398	0.208737	0.226588	1
PDIA3P	1.83033	1.32343	-0.467821	0.436665
ELAVL3	0.00733213	0.00622015	-0.237282	1
PYGM	0.0873457	0.0506713	-0.785569	1
LAMP3	1.17817	0.282621	-2.05961	0.00153868
ANKRD11	18.1328	14.719	-0.300925	0.631444
FSIP1	0.0404362	0.0297735	-0.44162	1
PEX11G	4.42019	0.820382	-2.42974	0.00153868
LOC100506082	0.296331	0.0653093	-2.18185	1
RNASE7	0.125133	0.0441731	-1.50222	1
NLRC4	0.35657	0.187199	-0.92961	1
BDNF	0.100079	0.0664187	-0.591478	1
C6orf99	0.728153	0.233741	-1.63933	0.273983
STOML1	6.07269	3.6911	-0.718286	0.0644552
PROZ	0.192215	0.137033	-0.488196	1
KLHL11	0.518212	0.43381	-0.25648	0.852179
PAXBP1-AS1	0.137979	0.0941937	-0.550743	1
MFAP3L	0.336901	0.497354	0.561949	0.328608
CCDC42B	0.468672	0.323178	-0.536251	0.952184
ZNF137P	0.361381	0.421055	0.220486	0.886619
HIST1H2BD	12.7362	17.4413	0.453573	0.501582
C19orf73	2.87717	2.51341	-0.195002	0.935543
FLJ45513	0.10527	0.0506742	-1.05477	1
GALNT3	0.0285328	0.00828174	-1.78462	1
ZNF285	0.0181156	0.0155144	-0.223629	1
BCL11B	0.19302	0.0543156	-1.82931	1
ZNF205-AS1	0.298619	0.382742	0.358065	0.976255
PHACTR1	0.0103016	0.00457634	-1.1706	1
SLC41A2	0.89992	0.539668	-0.737724	0.131988
GPR124	0.0803166	0.0604874	-0.409065	1
FGF11	2.70198	1.98275	-0.446516	0.397065
SRGAP2D	0.313729	0.211233	-0.570688	1
DBIL5P	0.324895	0.313516	-0.0514335	1
INHBA	0.011691	0	#NAME?	1
PLIN4	0.301873	0.096062	-1.65191	1
SPDYE5	0.170538	0.137398	-0.311726	1
SULT2B1	0.0695374	0.0300176	-1.21198	1
PNLDC1	0.0592761	0.12024	1.0204	1
C2orf62	0.0931903	0.0589236	-0.661334	1
QRICH2	1.34548	1.40719	0.0646979	0.957014
METTL21EP	0.0214521	0.00370985	-2.53169	1
SBSN	0.075369	0.0817175	0.116673	1
C17orf100	0.54937	0.223668	-1.29642	0.15618
OR51B5	0.557548	0.435162	-0.357542	0.87242
MIR22,MIR22HG	6.56506	13.413	1.03075	0.00153868

MARCH4	0.0174842	0.00270382	-2.69298	1
HRH1	2.87842	2.93963	0.0303607	0.978818
LOC100499227	1.61506	1.49145	-0.114866	0.946002
FKBP1B	0.114498	0.119125	0.0571497	1
SLC25A34	0.222108	0.0775429	-1.5182	1
KRTAP4-7	0.530114	0.278593	-0.928145	0.524638
NFKB1B	34.2109	32.4255	-0.0773266	0.968709
LOC440311	0.403674	0.216783	-0.896936	0.511853
KANSL1-AS1	1.01389	0.61939	-0.71098	0.955832
MIR1248,SNORA1	8.21279	2.95425	-1.47508	0.824372
YY2	1.12893	0.809698	-0.479506	0.765718
SPATA17	0.39798	0.0933966	-2.09126	0.141333
SLC35G5	0.0319782	0.184037	2.52484	1
BMP8B	1.04707	0.58077	-0.850317	0.806169
ZNF81	0.173188	0.13897	-0.31757	1
C11orf93	1.31178	0.457649	-1.51921	0.0732377
SCARNA14	45.2617	1.04558	-5.43592	0.708732
GDAP1	2.85198	1.97331	-0.53135	0.175696
KRT222	0.454846	0.146361	-1.63584	0.0537703
LMCD1	0.0701987	0.0367993	-0.931764	1
CBWD3	0.474487	0.449884	-0.0768166	0.971099
DOK3	4.43626	3.8267	-0.213243	0.802799
RNU6ATAC	61.4133	40.2706	-0.608823	0.687731
ARL17A,ARL17B	0.233492	0.309902	0.408441	1
SLC45A4	6.78927	6.65983	-0.0277702	0.981441
ADAP2	0.0860299	0.00373425	-4.52595	1
IQCH-AS1	5.6691	4.79485	-0.241635	0.975612
LOC348761	0.116477	0.0363245	-1.68102	1
GLI1	0.4435	0.490829	0.146287	0.93102
C9orf43	0.650928	0.54742	-0.249848	0.974573
CERS3	0.0430206	0.00546337	-2.97717	1
MNS1	0.545265	0.234549	-1.21707	0.31192
THAP10	1.38428	0.731579	-0.92005	0.0782684
MTRNR2L4	0.184014	0.160093	-0.200904	1
CILP2	0.0994405	0.130019	0.386816	1
AMZ1	0.0108575	0.00355822	-1.60947	1
TSACC	0.858623	0.6222	-0.464646	0.951272
PTGS1	0.0129478	0.0334345	1.36863	1
SPTBN4	0.178705	0.0594776	-1.58716	1
MYEF2	0.0056029	0.00147657	-1.92392	1
MGC72080	24.5958	15.9054	-0.628902	0.0799092
LMBRD2	0.467471	0.182481	-1.35713	0.0329313
TMED6	1.33248	1.04006	-0.357445	0.767689
ST14	0.0177217	0.0163455	-0.11663	1
KCNIP4	0.308327	0.430288	0.48084	0.589092
HLA-DRB5	0.0382757	0.00998194	-1.93904	1
MARVELD3	1.59839	1.47737	-0.113588	0.935124
PLXNA2	0.588053	0.51578	-0.189189	0.829483
ANKRD20A8P,LO	0.00735735	0	#NAME?	1

FLJ46300	0.0128119	0.0237162	0.888391	1
PRDM7	0.0207169	0.00313523	-2.72417	1
TMEM121	1.53386	1.55977	0.0241655	0.994058
CLDN2	0.0320208	0.0207937	-0.622862	1
C6orf163	0.298271	0.158598	-0.911251	1
GPR62	0.04249	0.0334634	-0.344539	1
PIWIL2	0.0097906	0.00316264	-1.63027	1
TLR10	0.00834784	0	#NAME?	1
TRPV6	0.0112348	0	#NAME?	1
LOC100129534	1.04324	0.250931	-2.05571	0.0169799
PKMYT1	82.1847	66.3371	-0.309053	0.61081
SNORA50	10.6227	2.51235	-2.08004	0.77453
LOC100144603	2.85174	3.10321	0.121917	0.957519
IL12RB2	0.0481238	0.0242394	-0.989397	1
PDE8B	0.19901	0.151747	-0.391178	1
TBXAS1	0.319083	0.140359	-1.18481	1
C2orf50	0.0347301	0.0316508	-0.133946	1
ANKRD45	0.0130601	0.00668571	-0.966011	1
TRANK1	0.048948	0.0157936	-1.63191	1
ZNF385B	0.0256817	0	#NAME?	1
KLF4	6.82461	2.28442	-1.57892	0.00153868
GPR132	0.0100844	0	#NAME?	1
ACTL8	4.13247	2.98125	-0.471088	0.400165
GPR113	0.0435362	0.0289484	-0.58873	1
POPDC2	0.241476	0.183326	-0.397465	1
ARHGAP24	0.138703	0.108658	-0.352198	1
KRTAP4-9	2.1135	0.636674	-1.73101	0.0187307
CHRNA10	1.47517	1.98385	0.42742	0.596588
SGPP2	1.21917	0.415574	-1.55272	0.0410754
ARHGDI1	0.0452909	0.0252348	-0.843807	1
SNORA68	38.3751	19.9419	-0.94437	0.875573
RAD54L2	0.374483	0.379071	0.017569	0.994068
S100A3	10.5324	7.08023	-0.572965	0.250712
NOXO1	0.652566	2.19203	1.74807	0.00970147
VWF	0.00996981	0.00987379	-0.0139618	1
FLJ21408	0.0741895	0	#NAME?	1
SLC35F4	0.0443575	0	#NAME?	1
SLC8A2	0.0217535	0.00405209	-2.42451	1
LINC00240	0.815406	0.728865	-0.161867	0.954535
CPNE9	0.11442	0.0956935	-0.257852	1
CPB2-AS1	0.00866728	0.00471795	-0.877419	1
AVIL	0.328361	0.145901	-1.17029	1
C9orf66	0.464219	0.198032	-1.22907	0.406709
LRRC26	7.36057	13.668	0.89291	0.0981523
ARMC12	0.556922	0.225184	-1.30637	0.243349
INHBC	0.104955	0.0253266	-2.05105	1
LOC400794	0.0359814	0	#NAME?	1
LOC641367	0.061332	0.024596	-1.31821	1
LOC100128361	0.658178	0.91178	0.470208	0.935543

C8orf31	1.61974	1.04592	-0.630987	0.312144
TRABD2B	0.0715546	0.025976	-1.46186	1
TMEM240	0.0681537	0.061352	-0.151681	1
TMEM190	0.175915	0.040871	-2.10573	1
PCDHB4	0.0687626	0.10258	0.57705	1
NKAPL	0.0214612	0.00623066	-1.78428	1
LRIT3	0.111322	0.167264	0.587387	1
ARHGAP9	0.175454	0.0666621	-1.39616	1
HCST	3.83903	1.19117	-1.68836	0.057213
LOC100132832	1.05429	0.738067	-0.514443	0.461327
TSPAN10	1.60931	0.393818	-2.03085	0.0393841
CPM	0.0138491	0.0161187	0.218949	1
NDUFA4L2	3.09424	1.11635	-1.4708	0.774237
C17orf74	0.705319	0.209033	-1.75454	0.0723025
SCT	0.263195	0.0606133	-2.11843	1
HIST1H4C	3.52822	1.63419	-1.11036	0.284754
TRPM5	0.0108462	0.00996098	-0.122835	1
LYZ	0.0561338	0.0544448	-0.0440744	1
PTPRVP	0.0380845	0.0138619	-1.45808	1
LOC283177	0.0406706	0	#NAME?	1
S100A14	0.514521	0.39936	-0.365539	0.831834
SULF2	0.0111043	0.00959351	-0.210991	1
SNORA80	18.1504	11.2342	-0.692104	0.948368
SCARNA9	7.61339	6.12654	-0.313466	0.884031
CCDC17	0.427436	0.267084	-0.678417	0.536181
SHROOM3	0.0114598	0.00896532	-0.354153	1
C9orf24	0.16834	0.101854	-0.724868	1
ID12-AS1	2.26679	2.67013	0.236261	0.970539
F10	0.283007	0.197706	-0.517477	1
HVCN1	0.0928897	0.161951	0.801966	1
KIAA0408,SOGA3	0.0106645	0.011923	0.160942	1
HAS2-AS1	0.0341141	0.0171965	-0.988256	1
RPA4	0.373984	0.291768	-0.358159	0.948523
STAG3	0.2537	0.26536	0.0648294	1
LRRC37A11P	0.0252563	0	#NAME?	1
ASRGL1	1.90631	1.54113	-0.306798	0.698423
GLUD1P7	0.0456269	0.00928084	-2.29756	1
CCDC175	0.547071	0.569155	0.0570927	0.991507
PVRL3-AS1	0.0598731	0.0103506	-2.53219	1
TUBA4B	0.0319724	0.0411124	0.362744	1
LOC284009	0.217763	0.0307776	-2.82281	1
MC1R	3.28525	1.80974	-0.860226	0.0318822
HPX	0.380494	0.226832	-0.746252	0.532869
CNBD2	0.0962649	0.0814036	-0.241916	1
TNS1	0.227621	0.173653	-0.390426	1
LOC646626	4.08284	1.97756	-1.04585	0.925922
LOC100505679	0.549221	0.282123	-0.961059	0.650967
HOXC13	0.523962	0.21542	-1.28231	0.145921
LOC440900	0.0934678	0.0572869	-0.706263	1

KCNMB3	0.777784	0.773866	-0.00728454	0.9976
TMEM104	2.8047	7.15938	1.35199	0.00153868
CA7	0.0848518	0	#NAME?	1
ABCA4	0.0213314	0.0198416	-0.104446	1
APBA2	0.0138383	0	#NAME?	1
DNMBP-AS1	0.0230602	0.018779	-0.296286	1
SNORA10	83.2474	52.7336	-0.658683	0.912292
CASC2	0.343893	0.198652	-0.791713	1
RRH	0.0700476	0.08227	0.23203	1
LOC100129480	0.066439	0.15875	1.25665	1
HIST1H2AI	1.55633	0.652144	-1.25488	0.419676
SNORA52	54.5818	25.0795	-1.12191	0.83928
TMOD4	0.156221	0.115293	-0.438285	1
PYY2	1.06811	0.979127	-0.125492	0.961132
ZNF878	0.341407	0.571156	0.742392	0.361033
TMEM173	0.213615	0.21753	0.0262	1
SNORA46	3.14039	0	#NAME?	0.480434
LGR6	0.07498	0	#NAME?	1
HOXB-AS3	0.887438	0.910513	0.037033	0.997191
SNORD8	23.8414	0	#NAME?	0.473572
LOC100128770	0.0740397	0.0373774	-0.986134	1
ITGB1BP2	0.758262	0.573619	-0.402604	0.960148
LOC100133985	3.379	1.54729	-1.12685	0.196771
HSPA1L	0.333024	0.158318	-1.0728	1
LOC100009676	3.47797	2.73413	-0.347165	0.755018
LINC00313	0.19091	0.0591027	-1.69159	1
SERPINI1	0.270845	0.276561	0.0301315	1
GPR89B,GPR89C	0.130796	0.116272	-0.169813	1
MPZL3	0.242413	0.0818683	-1.56609	1
WDR93	0.0948676	0.0123302	-2.94372	1
RCBTB2	0.437384	0.46497	0.0882369	0.959728
GRAP	0.150845	0.0886116	-0.767498	1
TAS2R31	0.0320992	0.0121246	-1.4046	1
CMTM2	0.269991	0.301246	0.158033	1
COL4A4	0.0294907	0.00711538	-2.05125	1
PREX1	0.0626164	0.0106429	-2.55665	1
HSH2D	0.518982	0.550545	0.085175	0.967296
TEX9	0.602709	0.448573	-0.426118	0.800138
SYNM	0.00480037	0.00542342	0.176056	1
FOXD4L1	0.754312	1.48334	0.975616	0.169004
SND1-IT1	0.0427394	0.0946795	1.14748	1
DCAF4L1	0.213656	0.136278	-0.648734	1
MMP23B	0.206654	0.180063	-0.198713	1
FAM209A	0.311069	0.243406	-0.35387	1
WFIKK1	0.381396	0.196397	-0.957518	0.558062
SPDYE6	0.471122	0.314781	-0.581755	0.47068
TCN2	0.0504723	0.0759776	0.590083	1
LGALS9	0.199596	0.237258	0.249378	1
C19orf71	0.928062	0.302042	-1.61947	0.773721

TAS1R3	0.151598	0.130182	-0.219716	1
HIATL2	1.01524	1.30086	0.357649	0.831834
FGF13	0.0134321	0.017578	0.38808	1
CELSR1	0.0749444	0.0486205	-0.624255	1
CAND2	0.134978	0.100209	-0.429712	1
TEX21P	0.0967521	0.00822122	-3.55687	1
REP15	1.38154	2.38697	0.788899	0.121135
FBXW4P1	0.489337	0.64938	0.408235	0.968712
GGT8P	0.0320275	0.0108484	-1.56183	1
EMILIN1	0.35638	0.226414	-0.654455	1
ANAPC1P1	0.0157839	0.0120669	-0.387395	1
RNF148	0.197008	0.178691	-0.140785	1
LOC100131257	0.00599488	0.00598097	-0.00334949	1
GPR19	0.376063	0.145408	-1.37087	0.152252
MAP2K4P1	0.0107748	0.0189809	0.816879	1
SLC9A9	0.0156466	0	#NAME?	1
LOC100127983	0.268088	0.16475	-0.702428	1
APOA2	1.87662	0.964912	-0.959664	0.362167
FBXL2	0.0521953	0.0918386	0.815179	1
SLC39A5	0.173528	0.031118	-2.47935	1
ZRANB2-AS2	0.284161	0.125271	-1.18166	1
TEX29	0.421846	0.27552	-0.614558	0.784528
LGALS4	0.226879	0.0626619	-1.85626	1
STEAP1B	0.0232529	0.00903294	-1.36414	1
LRRC46	0.613399	0.355526	-0.786871	0.920464
SNORA38	17.4922	9.3501	-0.903658	0.926279
KLRG1	0.23808	0.201506	-0.24062	1
SVEP1	0.00214969	0	#NAME?	1
CCL3L1	0.456955	0.0445056	-3.35999	0.565559
SCARNA22	100.404	21.2456	-2.24057	0.774328
STYK1	0.18691	0.0590457	-1.66244	1
LOC284837	0.0413369	0.0537541	0.378947	1
LOC100506895	0.00985074	0.0158098	0.682512	1
BMP4	1.15963	2.5399	1.13111	0.0117316
DKK3	0.178557	0.034647	-2.36558	1
LOC100128750	0.66423	0.218076	-1.60685	0.886468
RAB41	0.0326003	0.049322	0.597346	1
BAAT	0.208205	0.129518	-0.684849	1
ABO	0.313793	0.129502	-1.27684	1
ARHGEF26	0.20349	0.115464	-0.817522	1
HCP5	0.0109544	0.0727052	2.73055	1
LOC284801	0.0681004	0.0435402	-0.645316	1
LOC100129083	0.333649	0	#NAME?	1
MITF	0.722686	0.369527	-0.967688	0.0338188
CNDP1	0.0146627	0.0566756	1.95057	1
SCRT1	0.102778	0.0556983	-0.883829	1
CCNB3	0.733443	0.25391	-1.53037	0.117359
ATP6V0A4	0.0204818	0.0157929	-0.375066	1
MAGEB2	0.700239	0.452507	-0.629908	0.498909

MAFB	0.0147081	0	#NAME?	1
CTAGE4	0.0957904	0.0968577	0.0159854	1
MFSD7	0.42563	0.281538	-0.596269	0.911712
SERPINC1	0.049048	0.0635124	0.372845	1
PIN4P1	0.0408548	0.0371698	-0.136373	1
SAMD14	0.0955416	0.0463565	-1.04336	1
INTS4L2	0.0631341	0.0263535	-1.26043	1
HIST1H2AM	5.14455	2.84987	-0.85215	0.337645
PTCH2	0.328244	0.402662	0.294801	0.836049
TMEM151B	0.0749894	0.00760919	-3.30087	1
HIST1H2AG	3.60048	1.76286	-1.03027	0.274536
IL20RB	0.272678	0.131267	-1.05469	1
RSPH1	0.798254	0.342792	-1.21952	0.12463
LOC145837	0.0625384	0.005849	-3.41848	1
LOC100616530	0.281977	0.199665	-0.497998	1
SNORA61	59.1541	128.902	1.12372	0.929057
FOXL1	0.0490118	0	#NAME?	1
GRM6	0.0216321	0.0172748	-0.324506	1
SLC7A5P1	0.627768	0.850621	0.438285	0.879418
OLFML3	0.0184436	0.0137153	-0.42733	1
RASIP1	0.58515	0.239181	-1.2907	0.14587
MAP1B	0.00844322	0.00920867	0.125201	1
TMEM71	1.02784	0.0731884	-3.81186	0.00153868
ABCA13	0.00215095	0.000476145	-2.17551	1
C16orf71	0.145435	0.100175	-0.537855	1
HIST1H4I	1.38094	0.934781	-0.562953	0.969482
PDE1B	0.0111183	0	#NAME?	1
AQPEP	0.00785651	0.0120179	0.61322	1
CLDN4	0.239109	0.136375	-0.810086	1
ZNF790-AS1	0.0540735	0.037479	-0.528837	1
SNORA74B	3.0393	2.25461	-0.430859	0.960032
PROSER2-AS1	0.014066	0.0145849	0.0522559	1
SPNS3	0.712871	0.219674	-1.69828	0.0881203
MIRLET7DHG	0.955911	0.555289	-0.783638	0.260643
IGSF5	0.0407141	0	#NAME?	1
NCR3LG1	0.427759	0.315394	-0.439642	0.513296
RAB25	0.078406	0.0393071	-0.996174	1
ITIH1	0.0143288	0.00440353	-1.70219	1
CCDC64B	0.306552	0.178421	-0.780842	1
LINC00640	0.157041	0.0513986	-1.61134	1
ALDH1L1	0.0138569	0	#NAME?	1
HRASLS	0.33852	0.206838	-0.710742	1
TCTE1	0.22158	0.0450836	-2.29716	1
CYP46A1	0.0775041	0.031456	-1.30094	1
VTN	0.025307	0.0329085	0.378927	1
FUT3	0.0223814	0.0170761	-0.390317	1
SCG5	0.395809	0.464375	0.230489	0.897768
GSG1	0.0761228	0.0663272	-0.198729	1
CRYBA4	0.0653925	0	#NAME?	1

ATF5	102.578	51.6588	-0.989642	0.0181648
CYP26A1	0.0632085	0.0290417	-1.12199	1
LOC100130705	1.51327	1.74343	0.204255	0.838902
SNORD17	9.51734	3.47564	-1.45328	0.89229
CCDC62	0.24491	0.155911	-0.651524	1
SHE	0.0105197	0.0050759	-1.05136	1
BOLA1	0.186335	0.064473	-1.53113	1
OLFML2A	0.0285807	0.0140496	-1.02451	1
NCF1C	0.0382827	0	#NAME?	1
ZNRF3-AS1	0.0543975	0.021391	-1.34654	1
HIST1H3B	3.42996	1.0776	-1.67036	0.13436
HIST1H2AE	15.0484	6.74661	-1.15738	0.0220668
DNM1P35	0.2414	0.0680978	-1.82575	1
TSSK2	0.859896	1.27426	0.567426	0.877848
FAM49A	0.031045	0.00548781	-2.50006	1
NAT14	3.40054	2.19715	-0.630133	0.328749
COL9A2	0.0164728	0.0213026	0.370942	1
SCUBE2	0.0185549	0.0123291	-0.589732	1
FICD	1.24534	0.730863	-0.768865	0.3005
EXD1	0.024927	0.00662015	-1.91277	1
HS3ST3B1	0.29662	0.311149	0.0689917	1
FRY	0.00702145	0.000837416	-3.06775	1
NBPF11,NBPF24	0.00725601	0.00790997	0.124497	1
LOC401127	0.197026	0.201697	0.0338041	1
IGF2,INS,INS-IGF	0.0189604	0.0155461	-0.286439	1
CLIC3	0.238615	0.238764	0.00089992	1
MIR663A	3544.5	771.179	-2.20044	0.0226901
FAM186B	0.218408	0.0895368	-1.28648	1
WWTR1-AS1	0.11419	0.0450211	-1.34276	1
VWA8-AS1	0.0386918	0.00491065	-2.97804	1
CEND1	0.266402	0.321261	0.270144	1
PSTPIP2	0.0337297	0.0607083	0.847874	1
LOC151171	0.0424068	0.0346804	-0.290172	1
GFRA3	0.146586	0.0339578	-2.10993	1
RHBDL2	0.0978294	0.0107674	-3.1836	1
FLJ25758	0.0631261	0	#NAME?	1
CPLX3	0.0846415	0.0489258	-0.790769	1
CNGA4	0.0737267	0.0140325	-2.39342	1
GPM6B	0.0406224	0.0134357	-1.59621	1
C13orf45	0.0325633	0.00856808	-1.9262	1
SHBG	0.834862	0.716832	-0.219902	0.964843
SP140	0.290367	0.0616325	-2.23611	1
LOC100505676	0.0339671	0.00827665	-2.03702	1
PPAPDC3	0.363612	0.108787	-1.7409	1
HIST1H3G	2.15226	1.59923	-0.428479	0.821611
KLK15	0.0894392	0.0498066	-0.844571	1
GNG12-AS1	0.0651286	0.0176644	-1.88245	1
C2orf73	0.0155779	0.00403249	-1.94976	1
C12orf61	0.708165	0.377278	-0.908459	0.337387

KCNK7	0.700588	1.02804	0.553258	0.574553
NUPR1	5.29395	0.300285	-4.13994	0.00153868
LTA	0.163292	0.0269064	-2.60144	1
XYLT1	0.0152053	0.0226704	0.576229	1
PVRL4	0.064233	0.0368915	-0.800028	1
LRRC33	0.17819	0.0736525	-1.27461	1
CHRNA3	0.0423523	0.00745376	-2.5064	1
GHRL	0.405593	0.0729978	-2.47411	0.0471668
TNS4	0.0232772	0.0266602	0.195773	1
LINC00707	0.0102033	0.00563323	-0.856997	1
IFFO1	0.0965249	0.135736	0.491835	1
GPT	0.244136	0.503093	1.04314	0.374271
GDAP1L1	0.0464772	0	#NAME?	1
NINJ2	1.92519	1.6189	-0.249985	0.84703
ICAM4	0.339284	0.461389	0.443491	0.789321
RAB40A	0.80882	0.358621	-1.17336	0.14872
PCDHB15	0.142756	0.0805521	-0.825559	1
TDRD12	0.0199748	0.0121809	-0.713555	1
SNORA27	63.7132	32.8861	-0.954113	0.897319
MACC1	0.00747363	0.0073155	-0.0308527	1
NEK10	0.0119013	0.0109775	-0.116567	1
WEE2	0.0107696	0.00618688	-0.79968	1
MEI1	0.0486882	0.00882299	-2.46423	1
SNORA3	19.2856	6.20044	-1.63708	0.818092
ZNF90	0.00991396	0.00237204	-2.06333	1
EPHB6	0.245995	0.097534	-1.33465	1
DNAJC5B	0.0352434	0.00853033	-2.04668	1
DPY19L2P4	0.0682008	0.0442359	-0.62457	1
SCIN	0.0122618	0	#NAME?	1
KLHL14	0.0166434	0	#NAME?	1
TMEM178B	0.003148	0	#NAME?	1
SETBP1	0.00345995	0.00741308	1.09932	1
HLA-DRB1	0.0520839	0.0445265	-0.226174	1
FAM65B	0.00598338	0	#NAME?	1
SYT5	0.0782257	0.0224106	-1.80346	1
HIST1H2BI	1.44075	0.487352	-1.56378	0.317407
IL17B	0.114344	0.0442561	-1.36943	1
SEPT7L	0.123843	0.0298344	-2.05346	1
APOLD1	0.441432	0.108612	-2.023	0.00153868
TMCC3	0.00756856	0.00334451	-1.17822	1
ECM2	0.0165903	0.0164233	-0.0146035	1
ALDH1A3	0.0406481	0.0120604	-1.75292	1
ANKRD65	0.0290198	0	#NAME?	1
CALCRL	0.00650612	0	#NAME?	1
SCARNA1	3.76969	2.05735	-0.873656	0.932364
MPV17L	0.0266696	0.0121739	-1.13141	1
NLRP4	0.010294	0	#NAME?	1
C5orf27	0.0199795	0.0114516	-0.802968	1
SNORA79	39.6549	2.72993	-3.86056	0.64889

SLC5A11	0.0589844	0.0191443	-1.62342	1
C21orf7	0.672089	0.316876	-1.08474	0.111734
CDKL5	0.0299875	0.0229719	-0.38449	1
BMP2	0.0173158	0.0114422	-0.597719	1
LCE1B	0.260608	0.0587575	-2.14904	1
NCKAP1L	0.0569216	0.0178414	-1.67375	1
DENND2A	0.0121318	0.0190764	0.652997	1
CD300C	0.0427634	0	#NAME?	1
LOC388906	0.442213	0.30903	-0.516995	0.767216
CPNE5	0.183261	0.0551329	-1.73292	1
C17orf72	0.0389479	0.0725787	0.898002	1
NEB	0.00771265	0.00841029	0.124929	1
CXCL1	0.415159	0.242464	-0.77589	0.522562
C7orf57	0.0412407	0.00544404	-2.92132	1
CYP2F1	0.0335707	0.0507807	0.597079	1
HIST1H4H	7.31221	2.89094	-1.33877	0.057213
MAPT	0.0159562	0.0070386	-1.18076	1
WNT16	0.069982	0.0457412	-0.61349	1
SNORA74A	3.07215	2.52727	-0.28167	0.978818
PPM1E	0.0125197	0.0133204	0.0894397	1
PDZRN4	0.0354258	0.0224877	-0.655666	1
ZNF750	0.0148781	0.00912024	-0.70605	1
EPHX3	0.144467	0.0438355	-1.72057	1
LCN1	0.166713	0.0180642	-3.20616	1
KLHL32	0.0222745	0.00774215	-1.52459	1
ACRBP	0.355168	0.0664372	-2.41844	1
ACSM1	0.0175914	0.00549871	-1.6777	1
HIST1H4A	1.20752	0.373168	-1.69415	0.38574
VEPH1	2.64449	0.88191	-1.58429	0.00739414
ALG1L	0.783522	0.282403	-1.47222	0.423728
HHIP-AS1	0.0954768	0.0454721	-1.07017	1
DNAJC27-AS1	0.0196595	0.0106105	-0.889736	1
GRB7	0.393606	0.125185	-1.65269	0.068345
NKPD1	0.0308655	0	#NAME?	1
STL	0.0319419	0.0200935	-0.668725	1
LOC100505865	0.283272	0.0107088	-4.72532	1
LOC389332	0.0564733	0	#NAME?	1
SNORA20	7.10605	16.5161	1.21675	0.865317
EGR2	0.367001	0.0643499	-2.51177	1
LOC100128288	0.0566864	0.0289062	-0.971623	1
CLDN11	0.017241	0.0317051	0.878869	1
SULT1A2	0.0614532	0.0136261	-2.17311	1
PROX2	0.0230309	0.0122884	-0.906267	1
MSR1	0.0128011	0.00293353	-2.12556	1
LINC00620	0.0593384	0	#NAME?	1
HCG17	0.372689	0.33442	-0.156312	1
SCARNA16	23.1479	3.65408	-2.6633	0.69
KLK6	0.0319809	0	#NAME?	1
KCNE1L	0.687178	0.691542	0.00913454	0.997822

BTBD18	0.0230559	0.028303	0.295819	1
ZNF521	0.102948	0.0214949	-2.25985	1
NLRP9	0.103657	0.0657463	-0.656832	1
LOC338651	0.0198697	0	#NAME?	1
PTGER4	0.183596	0.0429184	-2.09687	1
KRT34	0.0279374	0.00686292	-2.02531	1
ACSBG2	0.0259782	0.0176796	-0.555216	1
HIST1H4E	10.865	1.81415	-2.58233	0.00572929
TMEM232	0.0449367	0.00232006	-4.27566	1
RFTN2	0.0430695	0.0538716	0.322859	1
UOX	0.0302383	0.00642891	-2.23373	1
CCDC144B	0.00473901	0.000997915	-2.2476	1
C5AR2	0.0749063	0	#NAME?	1
LINC00485	0.0136315	0	#NAME?	1
MROH8	0.109847	0.0333285	-1.72066	1
SCN4A	0.0405029	0.016735	-1.27515	1
SOWAHD	0.0532564	0.0757476	0.508244	1
ADAMTS17	0.117573	0.163679	0.47731	1
CGB2	0.111384	0.0342705	-1.7005	1
NOD2	0.0151885	0.00964831	-0.654629	1
RNF39	0.0981444	0.0571663	-0.779741	1
GPD1	0.255508	0.0420201	-2.60422	1
COL8A2	0.0161844	0	#NAME?	1
DLG2	0.00933539	0.00255662	-1.86847	1
ZNF667	0.00918331	0.0165513	0.849862	1
SNORA57	32.4343	14.9754	-1.11492	0.886425
GNAT2	0.138147	0.0366929	-1.91263	1
CRYBB3	0.263507	0.169703	-0.634826	1
ACTL7B	0.110359	0.0577629	-0.933986	1
SLC51B	0.100969	0.0289088	-1.80432	1
IMPG2	0.0166356	0.00524248	-1.66595	1
PYROXD2	0.122707	0.00593695	-4.36935	1
RAD21-AS1	0.12035	0.0374707	-1.6834	1
GPR22	0.0304527	0.0195424	-0.639962	1
C16orf62	0.0515474	0.0600058	0.219202	1
HIST1H3H	3.7876	2.97259	-0.349564	0.832978
HIST1H2AB	1.80642	0.833318	-1.1162	0.47852
FILIP1	0.00743543	0	#NAME?	1
GIMAP6	0.0121346	0.00842108	-0.527051	1
C3orf72	0.0318452	0.0391492	0.297906	1
TMEM88	2.49298	2.01453	-0.307425	0.831614
GRID1	0.0218923	0.00220069	-3.3144	1
HHIPL2	0.103212	0.09236	-0.160267	1
HIST2H3D	1.02855	0.283663	-1.85836	0.453878
CEACAM22P	0.014135	0.0411458	1.54148	1
LOC100507346	0.0430098	0.0426231	-0.0130278	1
TBX2	0.162195	0.0367437	-2.14216	1
LRRN3	0.0239937	0.00494013	-2.28003	1
DUSP15	0.331149	0.102296	-1.69474	1

NPPA	0.4299	0.284917	-0.593458	0.952184
ITPK1-AS1	0.0324415	0.0307558	-0.0769834	1
HIST1H2BC	3.52484	1.95371	-0.851341	0.396932
ANP32AP1	0.0637155	0.0441422	-0.529486	1
GPRC5D	0.655704	0.289155	-1.1812	0.287088
GNG4	0.022181	0.0139894	-0.664988	1
FRMPD1	0.00925055	0.0020166	-2.19761	1
SYN1	0.0411745	0.153227	1.89584	1
SNORA22	6.44359	1.15605	-2.47866	0.849059
FCGR1B	0.0261595	0	#NAME?	1
LOC653786	0.0907915	0.0121977	-2.89595	1
NFATC2	0.00948694	0.0081945	-0.211288	1
BEX4	0.0554757	0	#NAME?	1
KRTAP3-2	0.583694	0.2809	-1.05516	0.485751
ZNF274	0.0650361	0.00410137	-3.98706	1
PDE6A	0.0101516	0.0118791	0.226718	1
VSIG2	0.0501225	0.0377445	-0.409193	1
WWC3	0.0113504	0.00175784	-2.69087	1
NFE2	0.033926	0	#NAME?	1
ARL10	0.0297423	0.0297674	0.00121667	1
EXOC3L4	0.0548622	0.00846146	-2.69684	1
SNORA4	6.5452	7.58026	0.21181	0.98206
HK3	0.0205764	0.0200969	-0.0340138	1
IZUMO1	0.0489589	0.0537684	0.135189	1
SNORA71D	27.0256	6.06368	-2.15606	0.783393
LY96	3.19746	0.720715	-2.14942	0.0150346
SNORD76	337.929	71.0356	-2.25011	0.813283
ACTA1	0.986977	1.04548	0.0830741	0.971173
BRD7P3	0.0141211	0.0188112	0.413743	1
SLC7A11-AS1	0.0246307	0.00223941	-3.45927	1
ITGA2B	0.0275003	0.00509603	-2.432	1
MTUS2	0.0640257	0.0426	-0.587797	1
HIST1H2BG	4.62682	3.85217	-0.264352	0.863898
TERC	11.005	1.81842	-2.59741	0.00478151
ZNF860	0.0748297	0.0460047	-0.701831	1
ACTN3	0.0497345	0.0298655	-0.735769	1
BHMT2	0.0190536	0	#NAME?	1
FOXD4L6	0.0754465	0.191187	1.34146	1
HIST1H2BM	0.30821	0.240163	-0.359902	1
ZNF732	0.0222399	0.00748298	-1.57146	1
CCDC164	0.0248088	0.00790469	-1.65007	1
EDAR	0.0112221	0.00707872	-0.664786	1
FAM83E	0.586921	0.384928	-0.608578	0.627235
HIST1H4K	0.913683	0.173094	-2.40014	0.673323
TCAP	0.315936	0.567942	0.846112	0.536934
GLIPR1L2	0.123692	0.0471029	-1.39287	1
LOC729059	0.348379	0.0352984	-3.30298	1
FADS1	0.0108872	0.00690461	-0.657002	1
PDCL2	0.07359	0.103112	0.486634	1

SPN	0.00752052	0	#NAME?	1
TYRP1	0.0607603	0.00636227	-3.25552	1
TCEAL2	0.0390009	0	#NAME?	1
IL8	0.219871	0.466781	1.08609	0.159688
MX2	0.0246697	0.0118889	-1.05313	1
EFHB	0.0378226	0.0105998	-1.83522	1
PRR15L	0.0842051	0.0675633	-0.317669	1
MILR1	0.386073	0.0443259	-3.12265	0.643713
SNORA63	216.239	69.9579	-1.62807	0.837065
TMEM254-AS1	0.053275	0.0133604	-1.99549	1
SLC22A14	0.0299311	0.0284979	-0.0707892	1
KCNH1	0.0060793	0	#NAME?	1
LINC00273	0.144278	0.0207238	-2.79949	1
GTSF1L	0.073043	0	#NAME?	1
FBNP1	0.0137257	0.0117999	-0.218111	1
RPL19P12	0.123765	0.055155	-1.16604	1
SNORA62	12.0566	11.223	-0.103363	0.991175
FLJ42289	0.0937744	0.0266649	-1.81425	1
FLJ40292	0.041043	0.0364255	-0.172185	1
MIR3651,SNORA	43.6888	14.6785	-1.57356	0.844936
RNU4ATAC	14.8311	1.98968	-2.89801	0.809839
AEBP1	0.0229988	0.0273813	0.251635	1
DNAH12	0.0216808	0.00462198	-2.22983	1
XKRX	0.0376379	0	#NAME?	1
FLJ13224	0.288288	0.17803	-0.695392	1
HIST1H2BJ	2.77093	2.53744	-0.126995	0.95845
SNORA54	29.6726	3.16277	-3.22987	0.760927
LSP1	0.066304	0.0309865	-1.09746	1
HIST1H1D	2.1964	0.55549	-1.98331	0.0264621
TMEM61	0.0870707	0.042877	-1.02198	1
C15orf55	0.014144	0.00330585	-2.0971	1
CRB2	0.0825099	0.0244213	-1.75642	1
QRFP	2.46297	1.43152	-0.782859	0.568684
HIST1H3F	5.33682	1.14302	-2.22313	0.0379922
TEX38	0.0751776	0.0310088	-1.27762	1
YY1P2	0.0511176	0.0940837	0.880124	1
SNORA24	88.8085	47.7848	-0.894145	0.9379
SLC6A9	7.04346	1.81357	-1.95745	0.00153868
ZSCAN10	0.122309	0	#NAME?	1
LOC100996455	0.093735	0.0249669	-1.90857	1
LCE1E	0.241468	0.0654749	-1.88282	1
GPR18	0.0409135	0	#NAME?	1
LINC00568	0.283251	0.299148	0.0787775	1
DIRAS1	0.0844664	0.0548202	-0.623671	1
IDO1	0.0366088	0.0624134	0.769664	1
SIGLEC1	0.0098955	0.0155219	0.64946	1
FAM71F2	0.179307	0.044777	-2.0016	1
FAM124B	0.0322773	0.0235869	-0.452535	1
SIGLEC11	0.0314184	0	#NAME?	1

SLC2A1-AS1	0.0581571	0.0469761	-0.308029	1
SCN8A	0.00446562	0.000880804	-2.34197	1
CAPNS2	0.0589876	0.12208	1.04935	1
RASL10A	0.656336	0.255401	-1.36167	0.379385
TNFSF14	0.018402	0.0209663	0.188213	1
SMAD5-AS1	0.115456	0.142921	0.307871	1
HIST1H4B	2.89846	1.147	-1.33742	0.262058
SNORA64	29.2734	9.16426	-1.6755	0.804919
DHRS2	0.431493	0.0958886	-2.16991	0.0653297
PIP5K1B	0.130671	0.0538462	-1.27902	1
HIPK4	0.187036	0.131165	-0.511935	1
LOC727896	0.0321093	0.033207	0.0484955	1
SNORD33	226.449	132.128	-0.777254	0.939651
FOXI3	0.444473	0.159132	-1.48187	0.400559
VTRNA1-3	256.955	145.885	-0.816687	0.873038
LOC100505716	0.0572442	0.00870283	-2.71757	1
SNORA48	97.8323	25.8296	-1.92128	0.715489
HIST1H2BN	1.84274	1.4146	-0.38145	0.859197
OAS2	0.0144186	0.0144159	-0.000273609	1
SPIB	0.108561	0.116812	0.105676	1
SCUBE1	0.0208108	0	#NAME?	1
HIST1H2AK	0.711975	0.124426	-2.51654	0.557242
CUX2	0.0101729	0	#NAME?	1
TULP2	0.0388295	0.0164565	-1.2385	1
CC2D2B	0.0291152	0	#NAME?	1
DYDC2	0.0289755	0.00463656	-2.64371	1
LRRC25	0.0346968	0.0200537	-0.790937	1
BTC	0.0671993	0.0188886	-1.83093	1
SYNGR4	0.247476	0.0636684	-1.95864	1
SCARNA10	3.46825	1.52912	-1.18151	0.900051
SNORA49	17.1182	5.26539	-1.70092	0.848653
C3orf20	0.0214669	0.0044608	-2.26674	1
IL1RL1	0.0211145	0	#NAME?	1
HIST2H2BF	3.5796	1.08684	-1.71966	0.0857306
FKBP1AP1	0.0424598	0.0384452	-0.143293	1
ANK3	0.00571432	0.00220772	-1.37202	1
PTCSC3	0.0509436	0.0340285	-0.582156	1
SSC5D	0.0241938	0.00348861	-2.79391	1
CSTA	0.718475	0.140756	-2.35175	0.101019
SLC16A8	0.0849706	0.0175424	-2.27612	1
BEST1	0.418961	0.0296013	-3.82308	0.28665
TPTE2P1	0.0186564	0.0040547	-2.20201	1
OOEP	0.170134	0.300179	0.819152	1
ALG1L9P	0.177614	0.0455241	-1.96404	1
SNORD15B	55.9414	19.0539	-1.55383	0.725891
C1orf101	0.0418274	0.0144363	-1.53474	1
SFTPB	0.0259028	0.0482664	0.897915	1
PEX5L	0.00821029	0.00801254	-0.0351732	1
GGNBP1	0.105938	0.0422701	-1.32552	1

GPBAR1	0.483322	0.709615	0.554052	0.684382
RAB44	0.0357532	0.0135529	-1.39947	1
CNGA1	0.0435154	0.0110809	-1.97345	1
HIST1H2BF	2.15975	0.774373	-1.47976	0.270224
PTPN6	0.0361136	0.057691	0.675805	1
SYCP3	0.0991282	0.19511	0.976922	1
SNORA16A	29.1454	7.38488	-1.98062	0.8626
AMH	0.643972	0.672557	0.0626582	0.987159
DEFB131	1.39833	0.208317	-2.74685	0.61081
ALOX12	0.0331677	0.0474251	0.51587	1
LINC00304	0.107412	0.0453513	-1.24394	1
ARSI	0.136339	0.0236998	-2.52425	1
HYDIN2	0.00817941	0.00628099	-0.381005	1
TTC16	0.0290467	0.0202606	-0.519699	1
CALCB	0.218097	0	#NAME?	1
SNORA45	11.0548	3.68066	-1.58664	0.825824
SNORA31	41.1055	17.0648	-1.26831	0.796502
EFNB3	0.0277141	0.0239956	-0.207853	1
DSEL	0.00829673	0.00103679	-3.00042	1
C10orf131	0.0551748	0.0849818	0.623144	1
SRD5A3-AS1	0.073392	0.0348642	-1.07387	1
KLHDC7B	0.318114	0	#NAME?	1
MIR1291,SNORA:	8.90854	7.75354	-0.200333	0.988433
BTBD19	0.217144	0.0413925	-2.39121	1
WNT5B	0.0444484	0.00758603	-2.55071	1
CALHM1	0.026395	0.0224899	-0.230988	1
CLIP4	0.0410182	0	#NAME?	1
HEPACAM2	0.0307662	0.0260906	-0.237817	1
BIRC7	0.0961516	0.0339644	-1.50129	1
HOOK1	0.0106264	0.00296217	-1.84293	1
ALOX5AP	0.104669	0	#NAME?	1
SNORD10	38.4468	11.9567	-1.68505	0.740353
C9orf131	0.0466827	0.0342435	-0.447057	1
SNORA23	17.703	6.64748	-1.41311	0.882208
RASGRP3	0.112412	0.0234527	-2.26098	1
IHH	0.145704	0.418109	1.52084	0.174212
KCNQ3	0.00816435	0.00492592	-0.728946	1
MYH16	0.03444	0.00877248	-1.97303	1
ASIC4	0.0408371	0.00520863	-2.9709	1
CHRM1	0.0393988	0.0127301	-1.62991	1
KISS1	0.315163	0.056245	-2.4863	1
LOC388553	0.112579	0	#NAME?	1
SNORA76	17.5427	46.0112	1.39111	0.454606
LOC100132354	0.0554389	0	#NAME?	1
ROBO4	0.261978	0.0249195	-3.3941	1
ZNF549	0.0237859	0.0289427	0.283094	1
SNORA38B	11.9044	2.50124	-2.25078	0.814411
C8orf12,TDH	0.0716979	0.0463924	-0.62804	1
MSN	0.0206173	0.0284689	0.465531	1

HIST1H2BO	1.98639	1.10257	-0.849276	0.539395
LOC648691	0.0261754	0	#NAME?	1
CPED1	0.0170419	0.0149428	-0.189639	1
LOC100129617	0.0651559	0.0564121	-0.207892	1
SNORA71A	46.0211	6.19768	-2.8925	0.773721
HIST1H2AH	2.60924	1.30641	-0.998022	0.381086
KLKB1	0.0448769	0.0197005	-1.18774	1
CKMT1A	0.127153	0.0745212	-0.770841	1
EPN2-IT1	0.119156	0	#NAME?	1
FOXD4L3	0.0669525	0.127021	0.923863	1
C8orf46	0.0243734	0.0484746	0.99192	1
GRPR	0.0344421	0.0175065	-0.976278	1
HMG2P46	0.0442301	0.0314717	-0.49097	1
C4A,C4B_2	0.0203979	0.0126062	-0.694286	1
ZNF304	0.0240842	0.00857965	-1.4891	1
ALOX5	0.0681148	0.0225399	-1.59548	1
FRZB	0.0370793	0.0081908	-2.17854	1
MTUS1	0.0312356	0.0186849	-0.741317	1
FAM19A2	0.032107	0	#NAME?	1
LOC100505841	0.622325	0.404749	-0.620642	0.7898
PYCARD	0.594143	0.266887	-1.15458	0.496669
OLAH	0.201814	0.0647154	-1.64084	1
COL6A3	0.0168773	0.00144279	-3.54816	1
MBOAT4	0.101694	0.0385781	-1.39838	1
SNORA80B	30.5646	7.94966	-1.9429	0.752072
SNORA78	36.6498	3.0392	-3.59204	0.746108
MASP2	0.238164	0.0795627	-1.58179	1
SNORA71C	18.2337	7.58797	-1.26482	0.875956
STXBP5L	0.0103921	0.0129691	0.319603	1
NCAM1	0.0197658	0.0124537	-0.66643	1
SNORA7B	13.8575	3.22124	-2.10498	0.84674
LOC100506136	0.0947868	0.0546062	-0.795622	1
CD96	0.0244285	0.0101636	-1.26516	1
ESRP1	0.0440175	0	#NAME?	1
RNU12	8.82569	1.9316	-2.19192	0.475275
HCG9	0.313335	0.0743878	-2.07457	1
FAM223B	0.249394	0.15792	-0.659236	1
MFAP2	2.41715	0.0857484	-4.81705	0.374557
TP53AIP1	0.222523	0.00755797	-4.87981	1
MIP	0.0564802	0.107264	0.92535	1
TMEM25	0.0898604	0.021141	-2.08765	1
ATP8B5P	0.0491527	0.00981465	-2.32426	1
HIST3H2BB	0.699731	0.308602	-1.18105	0.604499
SNORD97	25.8651	10.7175	-1.27104	0.891086
SNORD94	19.1607	2.32591	-3.04229	0.72151
SNORA6	13.5362	0.594724	-4.50845	0.664697
ANKRD30BL	0.174773	0.0255699	-2.77296	1
VTRNA1-1	64.7828	0	#NAME?	0.158977
SNAR-G1	7.25033	0	#NAME?	0.158978

SNORD46	45.0279	26.5025	-0.764689	0.93305
SNORD83A	73.5686	0	#NAME?	0.20933
SNORD35A	216.72	0	#NAME?	0.2504
SNORA41	6.90113	3.34084	-1.04662	0.902428
SNORD32A	263.188	0	#NAME?	0.337387
SNORD36A	166.462	0	#NAME?	0.393596
SNORD4A	316.469	0	#NAME?	0.368294
SNORD100	195.994	0	#NAME?	0.394465
MIR4634	4568.78	0	#NAME?	0.368826
SNORD93	237.212	0	#NAME?	0.368826
SNORD16	46.8943	0	#NAME?	0.387544
SNORD23	13.6296	9.84848	-0.468767	0.961132
SNORD80	1184.91	0	#NAME?	0.400815
SNORD45A	246.46	0	#NAME?	0.4662
SNORA9	9.39267	9.4922	0.0152067	0.992194
SNORD105B	47.6524	0	#NAME?	0.513296
SNORA44	7.09215	2.9923	-1.24497	0.890564
SNORD28	255.029	0	#NAME?	0.514213
SNORA71B	3.82051	4.09446	0.0999058	0.985768
SNORD27	589.746	0	#NAME?	0.490598
SNORA37	18.927	6.48475	-1.54532	0.884911
SCARNA3	2.62792	0	#NAME?	0.477591
SNORA5A	4.21818	2.57936	-0.709608	0.940466
SCARNA23	5.71138	0	#NAME?	0.513296
LOC91450	0.0408273	0.41311	3.33892	0.626308
SNORA32	5.41223	21.3161	1.97765	0.708687
MIR4737	84.566	207.596	1.29563	0.863898
PYDC1	0.226971	0.644424	1.50551	0.897319
ESPN	0.0346764	0.0383733	0.146148	1
CA6	0.0123305	0.00934605	-0.399807	1
CTRC	0.0293885	0.0577049	0.97344	1
C1orf64	0.0198972	0	#NAME?	1
THEMIS2	0.024563	0.0631338	1.36193	1
RAB42	0.0367801	0.0140189	-1.39155	1
TINAGL1	0.0214413	0.00800473	-1.42147	1
LCK	0.0105531	0.00549378	-0.941795	1
ZBTB8B	0.00298985	0	#NAME?	1
LOC100129924	0.0473277	0.0452055	-0.0661891	1
FAM183A	0.0300573	0.0739319	1.29848	1
FOXE3	0.0387979	0.0860513	1.14922	1
MGC34796	0.00694343	0	#NAME?	1
IFI44L	0.00241978	0	#NAME?	1
IFI44	0.0148843	0	#NAME?	1
PRKACB	0.00608478	0	#NAME?	1
CLCA3P	0.0057119	0	#NAME?	1
GBP6	0.00207468	0	#NAME?	1
BRDT	0.0066294	0.00253366	-1.38765	1
CHIAP2	0.0075232	0	#NAME?	1
HAO2	0.0100332	0	#NAME?	1

CA14	0.00736879	0.0180359	1.29137	1
RHBG	0.0686654	0	#NAME?	1
CD1D	0.00316362	0	#NAME?	1
ATP1A2	0.00334225	0.00175782	-0.927028	1
LY9	0.00573682	0	#NAME?	1
PCP4L1	0.0135667	0	#NAME?	1
FCRLA	0.0210896	0.0395408	0.906806	1
MAEL	0.0423953	0.0109507	-1.95289	1
CFHR5	0.00325721	0	#NAME?	1
OPTC	0.0129057	0	#NAME?	1
CNTN2	0.00370263	0.00507055	0.45359	1
AVPR1B	0.0157339	0	#NAME?	1
IL24	0.00867236	0	#NAME?	1
C4BPB	0.0146889	0	#NAME?	1
LOC148696	0.00306003	0.0237662	2.9573	1
CAMK1G	0.0057	0.00934739	0.713602	1
FAM177B	0.0115729	0	#NAME?	1
LOC100506810	0.00768584	0.00538352	-0.513653	1
SDCCAG8	0.00400989	0	#NAME?	1
C1orf127	0.0060232	0	#NAME?	1
NPPB	0.047988	0	#NAME?	1
CNR2	0.00856937	0.0080412	-0.091777	1
MYOM3	0.00247551	0	#NAME?	1
AIM1L	0.00432945	0	#NAME?	1
SNORD99	75.8489	87.0707	0.199058	1
POU3F1	0.0410058	0.050351	0.296191	1
EDN2	0.0234275	0	#NAME?	1
GUCA2A	0.0361498	0	#NAME?	1
C1orf210	0.0169766	0.00898239	-0.918375	1
CYP4Z2P	0.00824694	0	#NAME?	1
LINC00466	0.0134364	0	#NAME?	1
GBP1	0.0164501	0.0381271	1.21272	1
C1orf194	0.0188768	0.0176558	-0.0964725	1
CASQ2	0.00402217	0	#NAME?	1
HIST2H2AA3	0.0894848	0	#NAME?	1
S100A5	0.0603153	0.0299942	-1.00784	1
KCNN3	0.00169125	0.00217541	0.363199	1
VHLL	0.0163423	0.0446393	1.4497	1
CD48	0.0104468	0	#NAME?	1
SH2D1B	0.00431908	0.00334633	-0.368143	1
SEC16B	0.00785134	0	#NAME?	1
NPHS2	0.00814995	0	#NAME?	1
TEDDM1	0.0130043	0	#NAME?	1
NCF2	0.00594625	0.00973861	0.711737	1
B3GALT2	0.00268012	0.00235025	-0.189482	1
TNNI1	0.00210942	0	#NAME?	1
LOC401980	0.00982197	0.0326364	1.7324	1
REN	0.0249927	0.0246207	-0.021636	1
GOLT1A	0.0758153	0.0195189	-1.95762	1

PIGR	0.016117	0.00897711	-0.844261	1
C1orf116	0.00228666	0.00408794	0.838135	1
LEFTY2	0.00857513	0	#NAME?	1
SNRPD2P2	0.0253793	0.016942	-0.583044	1
CELF2	0.00227606	0.00116757	-0.963028	1
CTSL1P2	0.0342414	0.00905492	-1.91897	1
WDFY4	0.00141464	0.00313935	1.15003	1
FAM25A	0.0626594	0	#NAME?	1
ANKRD2	0.0192262	0.0126355	-0.605594	1
TLX1	0.00986966	0	#NAME?	1
ADRA2A	0.012142	0.00549085	-1.1449	1
HMX2	0.0164035	0	#NAME?	1
TUBB8	0.0151633	0.00971968	-0.641601	1
CCDC3	0.00585397	0	#NAME?	1
NEBL	0.00440104	0	#NAME?	1
ZNF33BP1	0.0207703	0	#NAME?	1
TMEM72-AS1	0.0212374	0	#NAME?	1
HNRNPA1P33	0.0655368	0.0251227	-1.38331	1
GDF2	0.0108981	0	#NAME?	1
VSTM4	0.0141847	0.00324816	-2.12664	1
TACR2	0.0372633	0.00598175	-2.63912	1
PRF1	0.0477399	0.0322684	-0.565072	1
C10orf105	0.00463691	0.00243781	-0.927576	1
DUSP13	0.0533402	0.0100836	-2.40321	1
KCNMA1	0.00601305	0.00334979	-0.844024	1
FAS-AS1	0.0334203	0.0256186	-0.383531	1
EMX2OS	0.00162328	0.0012248	-0.406368	1
ADAM12	0.00196137	0	#NAME?	1
OR2AG1	0.0148511	0	#NAME?	1
OR2D3	0.0150238	0	#NAME?	1
SAA1	0.0563441	0.102371	0.861469	1
BBOX1	0.00568389	0	#NAME?	1
ACCSL	0.0100781	0	#NAME?	1
F2	0.0166326	0.0123211	-0.432885	1
OR10V2P	0.058949	0	#NAME?	1
MS4A14	0.00445733	0	#NAME?	1
ZP1	0.0119538	0	#NAME?	1
CD6	0.00865215	0	#NAME?	1
KCNK4	0.0167595	0.0249138	0.571964	1
SNX32	0.0106629	0.0291678	1.45178	1
TMEM151A	0.0308099	0	#NAME?	1
KRTAP5-7	0.0299199	0	#NAME?	1
P2RY6	0.0574837	0	#NAME?	1
OMP	0.0535851	0.0993725	0.891013	1
C11orf70	0.00561034	0	#NAME?	1
ELMOD1	0.00411799	0.00779798	0.921161	1
C11orf88	0.0206134	0	#NAME?	1
C11orf52,HSPB2	0.0240542	0.0402716	0.743473	1
NNMT	0.00943794	0	#NAME?	1

TTC36	0.0896546	0.0413255	-1.11734	1
UPK2	0.0310428	0	#NAME?	1
PATE4	0.00517466	0	#NAME?	1
DDX25	0.026172	0.00616319	-2.08627	1
GLB1L3	0.012107	0	#NAME?	1
MIR210	7.12532	7.68068	0.108279	1
KRTAP5-2	0.0177485	0.0259677	0.549023	1
USH1C	0.0284979	0.0221078	-0.366303	1
MPPED2	0.0130004	0.00194086	-2.74379	1
SYT13	0.0128937	0.0036326	-1.82759	1
CHST1	0.011651	0	#NAME?	1
SNORD67	6.81531	0	#NAME?	1
ALDH3B2	0.00967915	0	#NAME?	1
CCDC89	0.0149383	0	#NAME?	1
VSTM5	0.0437359	0.0281213	-0.637157	1
LOC643733	0.182955	0.0875231	-1.06375	1
CASP5	0.0972967	0.0400632	-1.28012	1
C11orf34	0.00815253	0.0232597	1.51251	1
APOA4	0.0254954	0	#NAME?	1
FXD2,FXD6,FX	0.00881018	0	#NAME?	1
CLMP	0.00941839	0.0044479	-1.08236	1
KIRREL3	0.0097848	0.0176246	0.848974	1
ADAMTS8	0.0146456	0	#NAME?	1
IQSEC3	0.00283035	0	#NAME?	1
LOC100292680	0.0486701	0	#NAME?	1
A2ML1	0.00311529	0	#NAME?	1
KLRD1	0.0108538	0.0161814	0.576138	1
H2AFJ	0.0133869	0	#NAME?	1
C12orf39	0.191914	0	#NAME?	1
C12orf54	0.0139707	0	#NAME?	1
ACVRL1	0.00376168	0.00340995	-0.141629	1
FAM71C	0.00646951	0	#NAME?	1
ANO4	0.00417165	0	#NAME?	1
ASCL1	0.00791247	0	#NAME?	1
RPH3A	0.00871831	0.00555576	-0.650066	1
HSPB8	0.0103369	0	#NAME?	1
P2RX7	0.0049558	0.0029521	-0.747379	1
LOC100507206	0.0142482	0.00840326	-0.761761	1
MMP17	0.0154342	0	#NAME?	1
CLECL1	0.00719013	0.0206179	1.51981	1
CLEC7A	0.00766012	0.0042983	-0.833599	1
TAS2R30	0.0132035	0.0256383	0.957377	1
BCAT1	0.00262562	0	#NAME?	1
NELL2	0.0280971	0.0075821	-1.88975	1
SNORA2A	2.11758	0	#NAME?	1
WNT10B	0.00789248	0	#NAME?	1
C1QL4	0.0135353	0	#NAME?	1
FAIM2	0.00348963	0	#NAME?	1
BIN2	0.0149896	0	#NAME?	1

KRT83	0.0142174	0.00913162	-0.638712	1
KRT75	0.00734829	0	#NAME?	1
KRT78	0.00906256	0	#NAME?	1
GPR84	0.0105213	0	#NAME?	1
DPY19L2	0.00403551	0.00202987	-0.991361	1
WIF1	0.00589247	0	#NAME?	1
TSPAN8	0.0235722	0	#NAME?	1
TSPAN19	0.011394	0	#NAME?	1
LUM	0.00504737	0	#NAME?	1
USP30-AS1	0.154438	0.0883653	-0.805476	1
MYL2	0.0779445	0	#NAME?	1
SDS	0.0220092	0.0200152	-0.137012	1
HNF1A-AS1	0.00770205	0.0140715	0.86946	1
HCAR2	0.0144142	0	#NAME?	1
HCAR1	0.00475876	0.0117965	1.3097	1
FLJ31485	0.00651954	0	#NAME?	1
GALNT9	0.0266669	0	#NAME?	1
WASF3	0.00530706	0	#NAME?	1
DNAJC15	0.00624925	0	#NAME?	1
NALCN-AS1	0.00612729	0	#NAME?	1
F7	0.0296622	0.00367676	-3.01212	1
GRK1	0.00824843	0.00611793	-0.431075	1
TPTE2	0.00857971	0.00845226	-0.0215914	1
ANKRD20A19P	0.0167767	0	#NAME?	1
STOML3	0.00627892	0	#NAME?	1
EPSTI1	0.0136422	0	#NAME?	1
CPB2	0.0164782	0.00508305	-1.69679	1
LINC00462	0.0128255	0	#NAME?	1
RNASEH2B-AS1	0.0589771	0	#NAME?	1
CTAGE11P	0.00780677	0.00369989	-1.07724	1
MIR4500HG	0.0063441	0	#NAME?	1
RNF113B	0.0188892	0	#NAME?	1
CCDC168	0.000391036	0.00175562	2.16661	1
RNASE8	0.056301	0	#NAME?	1
COCH	0.00413363	0	#NAME?	1
DACT1	0.00841228	0.00327022	-1.36311	1
RDH12	0.00833849	0.00759217	-0.135273	1
TSHR	0.0323344	0.0134944	-1.26071	1
CHGA	0.00954971	0	#NAME?	1
SERPINA3	0.00830208	0.00740883	-0.164228	1
C14orf132	0.00171561	0.00130021	-0.399983	1
DIO3	0.010515	0	#NAME?	1
SNORA28	3.00352	1.84076	-0.706349	1
LINC00637	0.0102523	0.0067909	-0.594273	1
ASPG	0.0118979	0	#NAME?	1
RNASE11,RNASE	0.00598168	0	#NAME?	1
MYH7	0.00342856	0	#NAME?	1
ADCY4	0.00532081	0	#NAME?	1
LOC100506071	0.00530861	0.00408609	-0.377613	1

TRIM9	0.00403447	0	#NAME?	1
FRMD6-AS2	0.025487	0	#NAME?	1
SLC10A1	0.0399066	0.0147028	-1.44053	1
TTC7B	0.00616006	0	#NAME?	1
SERPINA6	0.0088253	0	#NAME?	1
OR4N3P	0.0168781	0	#NAME?	1
NPAP1	0.00213095	0.00222432	0.0618649	1
DKFZP434L187	0.00250614	0	#NAME?	1
HERC2P10	0.0334616	0.0256054	-0.38606	1
ADAL	0.00419657	0	#NAME?	1
DCAF13P3	0.0312802	0.0191384	-0.708782	1
LDHAL6B	0.0162561	0	#NAME?	1
C2CD4A	0.0116383	0	#NAME?	1
NR2E3	0.0446589	0.0487736	0.127154	1
ODF3L1	0.0316678	0.0145608	-1.12093	1
PSTPIP1	0.0153908	0.0099821	-0.624651	1
UBE2Q2P2,UBE2	0.0154501	0.00970526	-0.670776	1
LOC100506874	0.00437093	0	#NAME?	1
SV2B	0.00104056	0	#NAME?	1
ASB9P1	0.00755689	0	#NAME?	1
GOLGA8DP	0.00196978	0.00152061	-0.373382	1
ACTC1	0.00465687	0.00239788	-0.957599	1
PLA2G4D	0.00644061	0	#NAME?	1
DUOXA1	0.044445	0.00539003	-3.04366	1
RASL12	0.00617611	0	#NAME?	1
IGDCC3	0.00527521	0	#NAME?	1
ITGA11	0.00819575	0.00269153	-1.60645	1
ADAMTS7	0.00571074	0	#NAME?	1
RASGRF1	0.00543845	0.00205202	-1.40615	1
LOC440297	0.00233538	0	#NAME?	1
AP3B2	0.0112403	0	#NAME?	1
NTRK3	0.00796325	0.00536001	-0.571122	1
LOC100144604	0.00657588	0.0058245	-0.175049	1
LOC91948	0.0176917	0.0236442	0.418414	1
C16orf11	0.0268669	0	#NAME?	1
NHLRC4	0.0359699	0	#NAME?	1
CACNA1H	0.0105	0	#NAME?	1
TMEM204	0.0149855	0.0139231	-0.106083	1
IL21R	0.00315217	0.00469332	0.574265	1
SLX1A,SLX1B,SU	0.0150509	0	#NAME?	1
ITGAL	0.00282314	0	#NAME?	1
MIR762	78.3877	0	#NAME?	1
GNAO1	0.0237669	0.0139593	-0.767732	1
SLC12A3	0.00361428	0	#NAME?	1
C1QTNF8	0.00684443	0	#NAME?	1
PRSS30P	0.00801674	0	#NAME?	1
SEPT12	0.0120732	0.0109351	-0.142844	1
ACSM2B	0.00456199	0	#NAME?	1
PKD1L3	0.00222393	0.0056348	1.34125	1

LOC100506388	0.0242096	0	#NAME?	1
ALOX15P1	0.0264293	0	#NAME?	1
CRYBA1	0.0177046	0.0311874	0.816841	1
UNC45B	0.0071556	0	#NAME?	1
MYL4	0.0284454	0.281267	3.30567	1
NXPH3	0.0027845	0.00519748	0.900391	1
LPO	0.0078151	0	#NAME?	1
TBX4	0.00848772	0	#NAME?	1
MRC2	0.00472766	0.00944187	0.997946	1
CD300A	0.00733779	0	#NAME?	1
ITGB4	0.00675539	0.0124283	0.879517	1
SPATA22	0.0265045	0	#NAME?	1
ATP2A3	0.00702139	0	#NAME?	1
GGT6	0.00638324	0	#NAME?	1
ALOX15	0.00851793	0.00534078	-0.673454	1
SLC13A5	0.00680453	0	#NAME?	1
GAS7	0.00167716	0.00126851	-0.402889	1
MAGOH2	0.0329125	0.0167008	-0.978715	1
KRT16P2	0.0101989	0.00951124	-0.100702	1
SMCR5	0.0138805	0.0214184	0.625796	1
OMG	0.0128136	0.0226139	0.819532	1
EVI2A	0.0170028	0	#NAME?	1
SLC35G3	0.0115337	0	#NAME?	1
TBC1D3C	0.0112889	0.00702969	-0.683377	1
CCR7	0.0106122	0	#NAME?	1
KRTAP3-3	0.136073	0.0206657	-2.71906	1
KRTAP2-1	0.0408858	0	#NAME?	1
KRTAP2-2	0.134199	0	#NAME?	1
KRTAP4-11	0.0502	0	#NAME?	1
KRTAP4-12	0.0535441	0	#NAME?	1
SOST	0.00715652	0	#NAME?	1
PYY	0.0196499	0.0719375	1.87222	1
MIR10A	5.1502	0	#NAME?	1
DLX3	0.0064246	0	#NAME?	1
LINC00483	0.0146126	0.0247602	0.760807	1
MTVR2	0.0237043	0	#NAME?	1
MPO	0.00525941	0	#NAME?	1
HSF5	0.00285261	0.00796712	1.48177	1
MIR5047	12.7523	0	#NAME?	1
AQP4-AS1	0.00502478	0	#NAME?	1
SLC14A2	0.00389269	0.00729747	0.906628	1
SLC14A1	0.00406857	0	#NAME?	1
SERPIN2	0.0118286	0.0217025	0.87558	1
C18orf63	0.00189295	0	#NAME?	1
LINC00470	0.00920669	0.0169586	0.881266	1
DLGAP1	0.00235468	0.00223482	-0.0753711	1
C18orf42	0.00474703	0.00454431	-0.0629632	1
ZBTB7C	0.00417878	0	#NAME?	1
CD226	0.013875	0.00378574	-1.87384	1

LOC400655	0.00648588	0	#NAME?	1
AZU1	0.045374	0	#NAME?	1
GIPC3	0.0070422	0.00326353	-1.10959	1
CERS4	0.0104588	0	#NAME?	1
RDH8	0.0131136	0.00872718	-0.587473	1
SYDE1	0.0192384	0.0125887	-0.611855	1
SLC5A5	0.00516609	0.00868771	0.749903	1
MIR3188	63.7142	0	#NAME?	1
HAMP	0.191678	0	#NAME?	1
CD22	0.0252371	0.00487215	-2.37292	1
UPK1A	0.140355	0.159554	0.184967	1
OVOL3	0.0999575	0.216032	1.11186	1
CEACAM6	0.0042614	0	#NAME?	1
TEX101	0.0121318	0.0126824	0.064032	1
HIF3A	0.00850691	0.00272393	-1.64295	1
LOC100507003	0.0337671	0.0255417	-0.402763	1
SNORD35B	30.7989	0	#NAME?	1
KLK2	0.00393284	0	#NAME?	1
CACNG6	0.0509844	0.0260041	-0.971316	1
NLRP8	0.00450307	0	#NAME?	1
C19orf77	0.0352012	0.0162957	-1.11113	1
FUT6	0.0142692	0.00976234	-0.547607	1
EMR4P	0.0130766	0.0158933	0.28143	1
CD209	0.00396967	0.00680252	0.77705	1
LOC388499	0.0272172	0.00836993	-1.70123	1
ZNF560	0.0036382	0.00688051	0.919293	1
S1PR5	0.0125159	0	#NAME?	1
LYL1	0.0166273	0.039436	1.24596	1
NXNL1	0.103419	0	#NAME?	1
INSL3	0.0702916	0.0271898	-1.37029	1
ZNF43	0.00644177	0.00665754	0.0475317	1
ZNF208	0.000968668	0.000841061	-0.203791	1
SCGB2B2	0.0520671	0	#NAME?	1
UPK1A-AS1	0.030246	0	#NAME?	1
FBXO17	0.0578072	0.0126036	-2.19742	1
LOC100505495	0.00453875	0	#NAME?	1
LYPD4	0.00926743	0.00883968	-0.0681754	1
PSG8	0.0171331	0	#NAME?	1
PSG1	0.00544695	0	#NAME?	1
PSG11	0.0097173	0	#NAME?	1
PSG5	0.0183724	0	#NAME?	1
CKM	0.00988918	0.0269279	1.44518	1
RSPH6A	0.00758424	0	#NAME?	1
CGB1	0.0508382	0	#NAME?	1
KCNA7	0.00824896	0.00885514	0.102302	1
SNORD88A	13.4121	0	#NAME?	1
KLK10	0.00459147	0.00754795	0.717131	1
KLK11	0.0419887	0	#NAME?	1
SIGLEC10	0.0227961	0.00752447	-1.59912	1

SIGLEC12	0.00877262	0	#NAME?	1
DUXA	0.0156731	0.0182353	0.218446	1
SNTG2	0.00833996	0.00630942	-0.402533	1
SOX11	0.00159614	0.00280461	0.813216	1
ABHD1	0.0339124	0.0323623	-0.0674987	1
CYP1B1-AS1	0.00968201	0.0128017	0.402954	1
SLC8A1-AS1	0.0198625	0	#NAME?	1
EPCAM	0.0108169	0	#NAME?	1
RPL23AP32	0.0341653	0.0358837	0.0707969	1
MEIS1	0.0054416	0.00653413	0.263963	1
ANKRD53	0.0368655	0.0190595	-0.951761	1
DCTN1-AS1	0.00590158	0	#NAME?	1
CTNNA2	0.00928229	0.00243155	-1.9326	1
GNLY	0.0334188	0.0217457	-0.61993	1
TEX37	0.0301256	0	#NAME?	1
ANKRD36BP2	0.0147954	0	#NAME?	1
IL1R1	0.00535891	0.00355547	-0.591899	1
SULT1C2	0.00377235	0.00355834	-0.0842594	1
INHBB	0.00559114	0.0189867	1.76377	1
AMER3	0.00341252	0.0022407	-0.606891	1
LOC440910	0.014412	0	#NAME?	1
PABPC1P2	0.00294454	0.00227696	-0.370933	1
TBR1	0.0196159	0	#NAME?	1
NOSTRIN	0.00704827	0.0228938	1.69962	1
HOXD11	0.0607547	0.0189492	-1.68086	1
FSIP2	0.00126751	0	#NAME?	1
KCNE4	0.00433212	0.0108012	1.31805	1
GAL3ST2	0.0323753	0	#NAME?	1
FAM150B	0.0133106	0.0223045	0.744764	1
LOC645949	0.00739089	0.00464155	-0.671141	1
OTOF	0.00365005	0	#NAME?	1
CYP1B1	0.00359145	0.00366809	0.0304648	1
LOC375196	0.0268742	0	#NAME?	1
NRXN1	0.0031611	0.00196784	-0.683814	1
EFEMP1	0.00367221	0	#NAME?	1
LOC339803	0.00491415	0.00377591	-0.38012	1
LOC400958	0.00378222	0	#NAME?	1
ADD2	0.00355701	0	#NAME?	1
TACR1	0.00256296	0.0113334	2.1447	1
PLGLB2	0.00349544	0.00607945	0.798466	1
FAM178B	0.0318187	0	#NAME?	1
LYG2	0.0673489	0.0162442	-2.05173	1
ST6GAL2	0.00512554	0.01033	1.01106	1
IL1A	0.0216446	0.0087346	-1.30919	1
LOC100499194	0.00762923	0.00685996	-0.153337	1
EN1	0.00926401	0	#NAME?	1
WTH3DI	0.00316826	0	#NAME?	1
MIR663B	8.78578	0	#NAME?	1
LYPD1	0.0203177	0	#NAME?	1

LOC100144595	0.00719223	0.0036741	-0.969045	1
FAP	0.00374083	0	#NAME?	1
WIPF1	0.0106355	0.00207796	-2.35564	1
DNAH7	0.00314899	0.00121657	-1.37207	1
BOLL	0.00389075	0	#NAME?	1
LINC00607	0.00308186	0	#NAME?	1
CCDC108	0.0102451	0	#NAME?	1
LOC151475	0.00968156	0.00737465	-0.392664	1
SNORA75	1.58364	1.31698	-0.266004	1
ASB18	0.0356519	0	#NAME?	1
MGC16025	0.00782259	0.0129145	0.723279	1
BOK-AS1	0.0263796	0	#NAME?	1
C20orf202	0.0156435	0.00592528	-1.40061	1
TGM3	0.00765473	0	#NAME?	1
UBOX5-AS1	0.0104856	0.0112934	0.10708	1
SLC24A3	0.0141572	0.0125561	-0.173147	1
PAX1	0.00414559	0	#NAME?	1
TTLL9	0.0220919	0.00678103	-1.70394	1
ADIG	0.0229498	0	#NAME?	1
PI3	0.0343429	0.253085	2.88154	1
LINC00494	0.00333652	0	#NAME?	1
TSHZ2	0.000933691	0	#NAME?	1
CASS4	0.0091566	0.0323208	1.81958	1
CDH26	0.0181462	0	#NAME?	1
LOC284757	0.00900993	0.00475171	-0.923069	1
C20orf195	0.0507901	0	#NAME?	1
MYT1	0.00373469	0.00193992	-0.944987	1
TCF15	0.026286	0.0165603	-0.666563	1
PXMP4	0.01345	0.00761761	-0.820199	1
FAM83C	0.0163781	0.016783	0.0352251	1
GDF5	0.0102669	0	#NAME?	1
JPH2	0.00593228	0	#NAME?	1
EPPIN,EPPIN-WF	0.00877266	0	#NAME?	1
PTGIS	0.00249611	0.00458713	0.877911	1
FAM65C	0.0054674	0.00289439	-0.917596	1
KCNG1	0.0142397	0	#NAME?	1
SALL4	0.0090889	0.0192134	1.07993	1
CYP24A1	0.00412318	0	#NAME?	1
GCNT7	0.0178865	0.0101566	-0.816445	1
HRH3	0.0136106	0.0179272	0.397425	1
GATA5	0.0083362	0.00770969	-0.112717	1
MIR3648	0.880056	0	#NAME?	1
LINC00189	0.0158773	0	#NAME?	1
MRAP	0.028771	0	#NAME?	1
LINC00310	0.0300789	0.136849	2.18577	1
PCP4	0.0252884	0	#NAME?	1
KCNE1	0.00391149	0.0124866	1.67459	1
LOC100133286	0.127949	0.0346924	-1.88288	1
LINC00163	0.0418572	0.0512132	0.29104	1

GGTLC2	0.0259198	0.071853	1.471	1
TOP1P2	0.00773631	0	#NAME?	1
IGLL3P	0.027628	0	#NAME?	1
ISX	0.00379124	0.00355247	-0.0938456	1
CSF2RB	0.00616358	0	#NAME?	1
CACNA11	0.00530062	0.00351302	-0.593448	1
SERHL	0.0242295	0.0735543	1.60204	1
MOV10L1	0.0139374	0	#NAME?	1
LOC388849	0.0451677	0.0300924	-0.585891	1
MN1	0.00702363	0.0149587	1.0907	1
C22orf24	0.0122103	0.022625	0.889817	1
WNT7B	0.00737782	0.0144407	0.968874	1
RBMS3	0.00190257	0	#NAME?	1
TGM4	0.00569821	0.00729898	0.357185	1
C3orf45	0.0263487	0.058601	1.1532	1
IQCF4	0.027233	0	#NAME?	1
FAM19A1	0.020212	0	#NAME?	1
FRG2C	0.00578861	0	#NAME?	1
ROBO2	0.0011631	0	#NAME?	1
EPHA3	0.00589387	0.00646541	0.133526	1
GPR128	0.00524148	0	#NAME?	1
SIDT1	0.00399804	0	#NAME?	1
TIGIT	0.0110589	0	#NAME?	1
PLA1A	0.0084365	0.00639686	-0.399281	1
CCDC37	0.00748488	0	#NAME?	1
EPHB1	0.00710128	0	#NAME?	1
AADAC	0.0127281	0	#NAME?	1
PTX3	0.0266651	0	#NAME?	1
AHSG	0.0132903	0	#NAME?	1
CLDN16	0.00358256	0	#NAME?	1
EPM2AIP1	0.002264	0	#NAME?	1
SCN5A	0.00194113	0.00174913	-0.15026	1
CX3CR1	0.00774319	0	#NAME?	1
CYP8B1	0.00730446	0.0069301	-0.0759021	1
SLC6A20	0.0108757	0.00414732	-1.39085	1
IQCF1	0.0990648	0	#NAME?	1
CADPS	0.00245749	0	#NAME?	1
LMOD3	0.0100534	0.00843868	-0.252589	1
STX19	0.012761	0.0068971	-0.887684	1
PRR23A	0.0199934	0.00597011	-1.7437	1
PLOD2	0.0040598	0.00226127	-0.844277	1
TM4SF18	0.00419517	0	#NAME?	1
FAM194A	0.0226385	0.0049585	-2.1908	1
ARHGEF26-AS1	0.0458533	0.0319816	-0.519784	1
SI	0.00149892	0	#NAME?	1
WDR49	0.00385568	0.00337286	-0.193012	1
SLC7A14	0.00254749	0	#NAME?	1
TNFSF10	0.0079167	0	#NAME?	1
MASP1	0.00661275	0	#NAME?	1

TPRG1-AS2	0.0511421	0	#NAME?	1
PDE6B	0.00743094	0.0313975	2.07903	1
NSG1	0.0138768	0.00527311	-1.39595	1
C4orf6	0.0303545	0	#NAME?	1
HTRA3	0.0125973	0	#NAME?	1
DRD5	0.0128184	0	#NAME?	1
C1QTNF7	0.00704697	0.00426083	-0.725868	1
ZAR1	0.0307625	0	#NAME?	1
SLC4A4	0.00203259	0	#NAME?	1
EREG	0.00666317	0.00202695	-1.7169	1
LOC100505702	0.00389649	0.00471268	0.274371	1
SPP1	0.0144148	0.0110377	-0.38511	1
NPNT	0.00601844	0	#NAME?	1
TDO2	0.00622484	0	#NAME?	1
STOX2	0.00353652	0	#NAME?	1
RBM47	0.0515978	0.00791736	-2.70422	1
GABRG1	0.00137849	0	#NAME?	1
KDR	0.00183414	0	#NAME?	1
IGFBP7	0.0577976	0	#NAME?	1
GNRHR	0.0042475	0.00623298	0.553309	1
UGT2B17	0.00509732	0	#NAME?	1
SULT1E1	0.0147482	0.00512221	-1.52571	1
IGJ	0.0236956	0.0151245	-0.647735	1
FAM198B	0.00865211	0	#NAME?	1
GPM6A	0.0150975	0.0105793	-0.51306	1
ROPN1L	0.0211282	0.0500376	1.24384	1
OSMR	0.0086784	0.0067042	-0.372364	1
NIM1	0.00468113	0	#NAME?	1
FST	0.0120197	0	#NAME?	1
PMCHL2	0.00583795	0	#NAME?	1
TMEM171	0.0140053	0	#NAME?	1
BHMT	0.0134737	0	#NAME?	1
CKMT2	0.0125137	0	#NAME?	1
SOWAHA	0.0112518	0.0106627	-0.0775836	1
MIR3661	19.3829	16.6459	-0.219619	1
MYOT	0.00813255	0	#NAME?	1
PKD2L2	0.00968351	0.00385701	-1.32805	1
PCDHGB8P	0.0463384	0.0173915	-1.41383	1
POU4F3	0.0255755	0	#NAME?	1
ADRB2	0.00700471	0	#NAME?	1
AFAP1L1	0.00448103	0	#NAME?	1
SLC6A7	0.00652961	0	#NAME?	1
IRGM	0.0119465	0	#NAME?	1
KIF4B	0.00235888	0	#NAME?	1
PPP1R2P3	0.00525738	0	#NAME?	1
EFCAB9	0.0605016	0	#NAME?	1
SLC34A1	0.00918399	0.00673782	-0.446839	1
BTNL8	0.0108913	0	#NAME?	1
SLC45A2	0.00621863	0	#NAME?	1

RANBP3L	0.00575309	0	#NAME?	1
GDNF	0.00328451	0	#NAME?	1
SEPP1	0.00751447	0	#NAME?	1
LOC647859	0.0213927	0	#NAME?	1
F2RL2	0.00372681	0	#NAME?	1
SNORA47	2.25814	0.867205	-1.38069	1
POU5F2	0.0793481	0.0367564	-1.1102	1
C5orf63	0.0024364	0.0027989	0.200105	1
IL5	0.0141183	0	#NAME?	1
FSTL4	0.00509337	0.00189647	-1.42531	1
SPOCK1	0.00590237	0	#NAME?	1
NME5	0.00885919	0	#NAME?	1
MZB1	0.0398181	0.0546295	0.456258	1
CD14	0.132971	0.213098	0.680403	1
ADAM19	0.00609365	0	#NAME?	1
SOX30	0.00498036	0	#NAME?	1
PROP1	0.0108382	0.00979015	-0.146719	1
BMP6	0.0044641	0.00347442	-0.361596	1
NRSN1	0.00487748	0	#NAME?	1
HIST1H3A	0.265744	0.493741	0.893715	1
VN1R10P	0.00904422	0	#NAME?	1
TTBK1	0.00536377	0	#NAME?	1
CAPN11	0.00508547	0	#NAME?	1
GPR115	0.00874704	0	#NAME?	1
MLIP	0.00690842	0	#NAME?	1
GFRAL	0.0155199	0	#NAME?	1
TSG1	0.00197109	0	#NAME?	1
GRIK2	0.00238759	0	#NAME?	1
NR2E1	0.00438624	0.00391452	-0.16415	1
LINC00222	0.0165451	0	#NAME?	1
SMLR1	0.00629727	0.00325888	-0.950353	1
SLC35D3	0.0278624	0.0479697	0.783804	1
GRM1	0.00189262	0	#NAME?	1
VIP	0.00653178	0	#NAME?	1
TIAM2	0.00900336	0.0125197	0.475666	1
SLC22A3	0.00397157	0.00350619	-0.179808	1
MYLK4	0.00819311	0.00315062	-1.37878	1
ELOVL2	0.00420368	0	#NAME?	1
HIST1H3J	0.0673109	0.0513137	-0.391496	1
UBD	0.019306	0	#NAME?	1
IFITM4P	0.0832126	0.215167	1.37058	1
C6orf15	0.0150869	0	#NAME?	1
PRPH2	0.00885274	0.0120689	0.4471	1
CRIP3	0.0177797	0	#NAME?	1
GCM1	0.0132577	0.00833801	-0.66906	1
GJB7	0.0148702	0.00436924	-1.76697	1
SIM1	0.0029464	0	#NAME?	1
LOC285758	0.00355113	0	#NAME?	1
HMGA1P7	0.0199684	0	#NAME?	1

LOC100130476	0.0107568	0	#NAME?	1
TXLNB	0.00233648	0	#NAME?	1
OSTCP1	0.0831842	0.0455192	-0.869833	1
SNORA29	1.20387	0	#NAME?	1
C6orf123	0.00888635	0.00680414	-0.385179	1
BMPER	0.00228309	0	#NAME?	1
ADCY1	0.00161671	0	#NAME?	1
WBSCR28	0.0580057	0	#NAME?	1
ELN	0.00851836	0	#NAME?	1
MAGI2-AS3	0.00116522	0	#NAME?	1
PVRIG	0.106377	0.0598529	-0.829687	1
COL26A1	0.00898974	0.00476528	-0.91572	1
CFTR	0.00248114	0	#NAME?	1
FAM71F1	0.00738059	0	#NAME?	1
C7orf45	0.0464179	0	#NAME?	1
AKR1B15	0.0106616	0	#NAME?	1
LOC100130880	0.0424002	0	#NAME?	1
TAS2R3	0.011816	0.0210062	0.830079	1
PRSS1	0.0276563	0	#NAME?	1
GIMAP8	0.0029223	0.00276046	-0.0821915	1
GIMAP2	0.0103879	0	#NAME?	1
FABP5P3	0.032241	0.0122243	-1.39914	1
DPP6	0.00316343	0	#NAME?	1
ZNF890P	0.00934348	0.031434	1.75029	1
CRHR2	0.0120412	0	#NAME?	1
MYO1G	0.0189522	0.0207615	0.131546	1
SNORA5C	1.04995	2.1374	1.02553	1
EGFR-AS1	0.00672683	0.00419746	-0.680411	1
SEPT14	0.00940844	0.00441052	-1.09301	1
ZNF479	0.00472898	0.00362542	-0.383381	1
GTF2IRD2P1	0.00413344	0	#NAME?	1
ABCB4	0.00290497	0	#NAME?	1
STEAP4	0.00264054	0	#NAME?	1
TMEM130	0.00822465	0.00430705	-0.933253	1
CYP3A7,CYP3A7	0.00534171	0.0151802	1.50682	1
CYP3A4	0.00546264	0	#NAME?	1
MOGAT3	0.0311562	0	#NAME?	1
GPR85	0.00337655	0	#NAME?	1
KCP	0.00977428	0.00703562	-0.474312	1
PLXNA4	0.000998152	0	#NAME?	1
TRPV5	0.00853757	0	#NAME?	1
OR6W1P	0.0100374	0.0185959	0.889591	1
OR2A1	0.0526235	0	#NAME?	1
FAM90A10P	0.0365905	0	#NAME?	1
BLK	0.00954722	0	#NAME?	1
ZNF705D	0.00413495	0	#NAME?	1
ADAM5	0.00581595	0.00558925	-0.0573607	1
FAM110B	0.00471771	0	#NAME?	1
PREX2	0.00289691	0	#NAME?	1

PI15	0.0014336	0	#NAME?	1
KCNS2	0.00461478	0	#NAME?	1
FLJ42969	0.00655454	0	#NAME?	1
BAALC	0.0111028	0.00426018	-1.38194	1
CTHRC1	0.0215508	0.0584837	1.44029	1
TG	0.00329177	0.00765175	1.21693	1
ANK1	0.0266415	0.0100652	-1.4043	1
DKK4	0.017857	0	#NAME?	1
LOC100130298	0.0356976	0	#NAME?	1
LOC286186	0.00452659	0	#NAME?	1
RUNX1T1	0.0110412	0.00995545	-0.149335	1
LOC100288748	0.0099602	0	#NAME?	1
LOC100499183	0.0172419	0.0214251	0.313386	1
DPYS	0.00911249	0.00554805	-0.715864	1
TMEM74	0.00908591	0.0053329	-0.768711	1
LINC00536	0.00366917	0	#NAME?	1
SNTB1	0.00232842	0.00650451	1.48209	1
HHLA1	0.00395573	0	#NAME?	1
KCNV2	0.0139064	0.023779	0.773937	1
IFNA1	0.016335	0	#NAME?	1
LOC100506422	0.0088389	0.00346208	-1.35223	1
KIAA1045	0.0023449	0.00210177	-0.157924	1
FAM27C	0.0276447	0.0206436	-0.421313	1
ANKRD20A4	0.00397841	0	#NAME?	1
PGM5	0.00569833	0.0132946	1.22223	1
GDA	0.00819605	0	#NAME?	1
NTRK2	0.00133886	0.0027839	1.05611	1
C9orf47,S1PR3	0.00458321	0.00277111	-0.725891	1
BARHL1	0.0252618	0.0616136	1.28629	1
RNF224	0.0385745	0.0132561	-1.54099	1
TUBBP5	0.0236311	0.0331177	0.486918	1
FLJ41200	0.00459448	0	#NAME?	1
FAM154A	0.0106415	0	#NAME?	1
SLC24A2	0.00141782	0.00182356	0.363081	1
PTENP1	0.00811424	0.00468497	-0.792417	1
ALDH1A1	0.0072215	0	#NAME?	1
GNA14	0.0157579	0.00908847	-0.793969	1
LOC100129316	0.00219602	0.00207415	-0.0823709	1
FBP2	0.0411747	0.0109234	-1.91433	1
LINC00092	0.0255129	0.00973051	-1.39064	1
LOC340508	0.0187708	0	#NAME?	1
TNFSF15	0.00163456	0.00283062	0.792218	1
TNC	0.010247	0	#NAME?	1
ANGPTL2	0.0100342	0.0299099	1.5757	1
SOHLH1	0.0165708	0.015249	-0.119932	1
LCN10	0.0111467	0.00583336	-0.934217	1
PLCXD1	0.00425472	0.00887363	1.06046	1
OTC	0.0107882	0	#NAME?	1
ARR3	0.0102819	0.0260953	1.34369	1

GDPD2	0.00713048	0.00526675	-0.437086	1
NXF4	0.00647253	0	#NAME?	1
RAB40AL	0.134185	0.0758579	-0.822855	1
TMEM31	0.0267954	0.0422189	0.655901	1
VSIG1	0.0107612	0.00989194	-0.121511	1
RGAG1	0.00294777	0.00314954	0.0955201	1
AKAP14	0.0209754	0.0117891	-0.831246	1
SPANXA2-OT1	0.00695419	0	#NAME?	1
MAGEA4	0.00800148	0.0142528	0.832902	1
MAGEA6	0.0119906	0	#NAME?	1
CSAG1	0.0226479	0	#NAME?	1
BGN	0.00799551	0	#NAME?	1
DUSP9	0.021541	0	#NAME?	1
LINC00102	0.00819605	0.0143345	0.806494	1
ACE2	0.00552084	0	#NAME?	1
BEND2	0.00242682	0	#NAME?	1
GPR64	0.00231272	0.00229455	-0.0113777	1
FTH1P18	0.0267722	0	#NAME?	1
CXorf36	0.00290889	0	#NAME?	1
WNK3	0.00218923	0	#NAME?	1
IL2RG	0.0120894	0	#NAME?	1
CXCR3	0.0155027	0	#NAME?	1
ZDHHC15	0.00263115	0	#NAME?	1
TCEAL6	0.0119288	0.015256	0.354922	1
KIAA1210	0.00145918	0.00221611	0.602873	1
ACTRT1	0.0165778	0	#NAME?	1
SMARCA1	0.00378756	0	#NAME?	1
SPANXC	0.0524389	0	#NAME?	1
FMR1-AS1	0.0134779	0.0145135	0.106793	1
PNMA5	0.00826821	0	#NAME?	1
TMLHE-AS1	0.00625313	0.00592227	-0.0784283	1
GYG2P1	0.0230603	0	#NAME?	1
MIR221	0	6.04941 inf		1
SNORD6	0	0	0	1
MIR4523	0	0	0	1
SNORD104	0	0	0	1
SNORD58C	0	127.713 inf		0.301221
SNORD95	0	0	0	1
SNORD58A	0	0	0	1
SNORD4B	0	0	0	1
MIR3064	0	0	0	1
MIR1282	0	60.7562 inf		0.357424
SNORD117	0	0	0	1
SNORD31	0	0	0	1
MIR637	0	0	0	1
MIR3911	0	0	0	1
MIR1234	0	0	0	1
MIR4484	0	65.057 inf		1
MIRLET7D	0	0	0	1

DDX11L1	0	0	0	1
LOC100132062,L1	0	0	0	1
CLCNKA	0	0	0	1
CDA	0	0	0	1
MDS2	0	0	0	1
LIN28A	0	0.00551668	inf	1
HCRTR1	0	0	0	1
GJB3	0	0.00885754	inf	1
TMCO2	0	0.0172161	inf	1
MKKNK1-AS1	0	0.00941133	inf	1
FAM159A	0	0	0	1
ZYG11A	0	0.00556549	inf	1
PRKAA2	0	0	0	1
ANGPTL3	0	0.00404798	inf	1
FOXD3	0	0.0171306	inf	1
IL23R	0	0	0	1
LRRC7	0	0.00129681	inf	1
ST6GALNAC3	0	0	0	1
DNASE2B	0	0	0	1
FLJ31662	0	0	0	1
SYPL2	0	0.0116535	inf	1
GPR61	0	0.0119883	inf	1
HSD3BP4	0	0.000962954	inf	1
TDRD10	0	0	0	1
KCNJ9	0	0.00449451	inf	1
VANGL2	0	0.00280362	inf	1
FCGR2A	0	0.00463203	inf	1
HSPA7	0	0	0	1
GPR52	0	0.0155974	inf	1
CRB1	0	0	0	1
PRELP	0	0.00700289	inf	1
LINC00260	0	0.0254548	inf	1
LEMD1-AS1	0	0.00422574	inf	1
LOC284581	0	0.00993923	inf	1
CR1	0	0	0	1
HSD11B1	0	0	0	1
CNIH3	0	0.0101994	inf	1
LINC00184	0	0	0	1
KMO	0	0	0	1
TNFRSF4	0	0.0893336	inf	1
C1orf233	0	0	0	1
TTC34	0	0.0802573	inf	1
HES2	0	0.00679237	inf	1
SLC2A7	0	0	0	1
SPATA21	0	0	0	1
PLA2G2D	0	0	0	1
DLGAP3	0	0.00526889	inf	1
CYP4A11	0	0	0	1
GLIS1	0	0	0	1

TACSTD2	0	0	0	1
LPAR3	0	0	0	1
DPYD	0	0.0182781	inf	1
PTPN22	0	0.0048856	inf	1
AMPD1	0	0.013106	inf	1
REG4	0	0	0	1
CELF3	0	0.0429803	inf	1
RORC	0	0	0	1
FLG	0	0.00218054	inf	1
RPL31P11	0	0	0	1
LOC100505918	0	0.00390268	inf	1
F5	0	0.00410164	inf	1
SELL	0	0	0	1
ASTN1	0	0	0	1
NMNAT2	0	0.00191909	inf	1
APOBEC4	0	0.0038426	inf	1
F13B	0	0.0210549	inf	1
LOC100131234	0	0	0	1
MYOG	0	0	0	1
IL10	0	0.01972	inf	1
USH2A	0	0.00272123	inf	1
AGT	0	0	0	1
DISC2	0	0	0	1
PRR26	0	0.0672157	inf	1
AKR1C3	0	0.00760864	inf	1
ZNF32-AS3	0	0	0	1
GPRIN2	0	0	0	1
MTRNR2L5	0	0	0	1
ZNF365	0	0	0	1
ADAMTS14	0	0.0029743	inf	1
FFAR4	0	0.00943461	inf	1
CYP2C9	0	0.0104682	inf	1
C10orf62	0	0	0	1
CNNM1	0	0	0	1
WNT8B	0	0.00690328	inf	1
PLEKHS1	0	0.00338407	inf	1
BTBD16	0	0.0139416	inf	1
ARMS2	0	0	0	1
FLJ46361	0	0	0	1
ST8SIA6	0	0.00661451	inf	1
LRRC37A6P	0	0	0	1
LOC441666	0	0	0	1
OR13A1	0	0.00637026	inf	1
LINC00842	0	0.00324815	inf	1
BMS1P6	0	0	0	1
RBP3	0	0.00688183	inf	1
A1CF	0	0.00392701	inf	1
NODAL	0	0.031158	inf	1
MYOZ1	0	0	0	1

CRTAC1	0	0	0	1
CYP17A1	0	0.00657695	inf	1
TCERG1L	0	0	0	1
SYCE1	0	0.0333998	inf	1
OR51I2	0	0.0136133	inf	1
OR52D1	0	0.0237481	inf	1
OR10A2	0	0.0157202	inf	1
MRVI1-AS1	0	0.0341671	inf	1
OR7E14P	0	0	0	1
LDHAL6A	0	0.0164588	inf	1
FSHB	0	0	0	1
C11orf96	0	0	0	1
CREB3L1	0	0	0	1
SMTNL1	0	0.0519405	inf	1
MS4A7	0	0	0	1
SLC22A10	0	0	0	1
RARRES3	0	0	0	1
MIR612	0	13.8951	inf	1
OVOL1	0	0.00525008	inf	1
SYT12	0	0	0	1
SHANK2-AS1	0	0	0	1
B3GNT6	0	0	0	1
FOLR4	0	0	0	1
C11orf53	0	0	0	1
PDZD3	0	0	0	1
POU2F3	0	0.00432447	inf	1
FLI1	0	0	0	1
BARX2	0	0	0	1
ADAMTS15	0	0	0	1
OR2D2	0	0	0	1
PLEKHA7	0	0	0	1
MUC15	0	0	0	1
SLC5A12	0	0	0	1
PAMR1	0	0	0	1
LOC100507300	0	0.00440919	inf	1
PRG2	0	0.0363489	inf	1
DKFZP434K028	0	0	0	1
FLJ42102	0	0.0122337	inf	1
PHOX2A	0	0	0	1
P4HA3	0	0	0	1
MAP6	0	0.00253829	inf	1
TENM4	0	0	0	1
NOX4	0	0.00216775	inf	1
SNORA1	0	1.26155	inf	1
MMP7	0	0	0	1
CARD16	0	0.0164837	inf	1
RDX	0	0.00630137	inf	1
POU2AF1	0	0	0	1
APOA1	0	0.242896	inf	1

CD3D	0	0	0	1
SCN3B	0	0	0	1
GALNT8	0	0	0	1
NANOG	0	0	0	1
RIMKLB	0	0	0	1
LOC100499405	0	0	0	1
LOC338817	0	0.0154932	inf	1
BCL2L14	0	0.00569158	inf	1
SLCO1C1	0	0.00572892	inf	1
IAPP	0	0.0143174	inf	1
DENND5B-AS1	0	0.118904	inf	1
AMHR2	0	0	0	1
OTOGL	0	0	0	1
DTX1	0	0	0	1
SRRM4	0	0.00150162	inf	1
LRRC43	0	0.0294022	inf	1
LOC100507091	0	0.0114884	inf	1
MIR3908	0	0	0	1
GLT1D1	0	0.00899739	inf	1
GPR133	0	0	0	1
LOC116437	0	0	0	1
LOC100271702	0	0	0	1
A2M	0	0	0	1
TAS2R50	0	0	0	1
TAS2R43	0	0	0	1
PRB3	0	0	0	1
SLCO1A2	0	0	0	1
PTHLH	0	0.0102794	inf	1
H3F3C	0	0.0490568	inf	1
PRICKLE1	0	0.0046987	inf	1
ENDOU	0	0.00937122	inf	1
KRT1	0	0	0	1
DCD	0	0	0	1
SDR9C7	0	0.00697169	inf	1
LOC100130075	0	0.0285477	inf	1
LRRC10	0	0	0	1
LOC728084	0	0	0	1
TRPV4	0	0.00617116	inf	1
NOS1	0	0	0	1
PLA2G1B	0	0.0984231	inf	1
OASL	0	0.0123584	inf	1
HPD	0	0.00874468	inf	1
ATP12A	0	0.00610399	inf	1
NBEA	0	0.000710954	inf	1
SPERT	0	0	0	1
MLNR	0	0	0	1
SERPINE3	0	0.0159928	inf	1
CCDC70	0	0	0	1
GAS6-AS1	0	0.0433459	inf	1

GPR12	0	0	0	1
LINC00598	0	0.0115239	inf	1
KCTD4	0	0	0	1
LINC00563	0	0	0	1
LPAR6	0	0.00716066	inf	1
DLEU7	0	0	0	1
POU4F1	0	0	0	1
DCT	0	0	0	1
SLC15A1	0	0	0	1
RNASE2	0	0	0	1
NYNRIN	0	0	0	1
SSTR1	0	0	0	1
PLEKHD1	0	0	0	1
UNC79	0	0.00529467	inf	1
NDRG2	0	0	0	1
MYH6	0	0	0	1
PRKD1	0	0	0	1
EGLN3	0	0.00802759	inf	1
C14orf183	0	0.0534602	inf	1
OTX2	0	0.00443514	inf	1
ISM2	0	0.0117236	inf	1
DEGS2	0	0.0144771	inf	1
SNRPN,SNURF	0	0.0107281	inf	1
PAR-SN	0	0	0	1
PAR5	0	0.00271743	inf	1
SLC28A2	0	0.0395526	inf	1
SCG3	0	0.00278853	inf	1
CGNL1	0	0.00241103	inf	1
CYP1A2	0	0.00460182	inf	1
LOC646938	0	0	0	1
SH3GL3	0	0	0	1
MESP2	0	0.025343	inf	1
ULK4P1,ULK4P3	0	0	0	1
CSNK1A1P1	0	0	0	1
HDC	0	0.0139588	inf	1
CILP	0	0.00735037	inf	1
AGSK1,LOC7278	0	0	0	1
LOC338963	0	0	0	1
FSD2	0	0	0	1
SYT17	0	0.0153536	inf	1
ACSM5	0	0	0	1
VWA3A	0	0	0	1
SNX29P2	0	0.010517	inf	1
SNORA30	0	0	0	1
FLJ26245,RNA5S	0	0.0220499	inf	1
MT1A	0	0.0679209	inf	1
MT1B	0	0.139684	inf	1
MT1H	0	0	0	1
GPR97	0	0	0	1

CDH5	0	0.00306957	inf	1
CES4A	0	0.00676585	inf	1
HP	0	0.00939822	inf	1
CDH13	0	0	0	1
FOXC2	0	0	0	1
IL17C	0	0	0	1
LINC00235	0	0.146245	inf	1
SSTR5-AS1	0	0	0	1
LOC100506655	0	0.00828474	inf	1
LOC388242	0	0.0132616	inf	1
ANKRD26P1	0	0.0102844	inf	1
CDH11	0	0	0	1
DPEP2	0	0	0	1
FENDRR	0	0.0034054	inf	1
SLC22A31	0	0.00942123	inf	1
TUSC5	0	0	0	1
SMTNL2	0	0	0	1
LOC339166	0	0	0	1
CCDC144A	0	0.00262584	inf	1
GRAPL	0	0	0	1
KCNJ12,KCNJ18	0	0.00335896	inf	1
LHX1	0	0	0	1
C17orf78	0	0	0	1
CD300LG	0	0.00526476	inf	1
IGF2BP1	0	0.00135195	inf	1
MYCBPAP	0	0.00396741	inf	1
CACNA1G	0	0	0	1
EPX	0	0	0	1
OTOP2	0	0	0	1
P2RX1	0	0	0	1
PIK3R5	0	0.00333689	inf	1
EPN2-AS1	0	0.0290574	inf	1
SLC47A2	0	0.0196318	inf	1
NOS2	0	0.00313372	inf	1
SLFN14	0	0	0	1
GAS2L2	0	0	0	1
CCL3	0	0.204322	inf	1
TBC1D3H	0	0	0	1
HNF1B	0	0.00413917	inf	1
STAC2	0	0	0	1
NEUROD2	0	0.00662243	inf	1
KRT19	0	0	0	1
KRT16	0	0.00821491	inf	1
RPRML	0	0.135663	inf	1
TAC4	0	0	0	1
CHAD	0	0.0389544	inf	1
C17orf47	0	0	0	1
TBC1D3P2	0	0	0	1
BTBD17	0	0	0	1

FOXJ1	0	0.00783628	inf	1
LOC100996291	0	0.00915485	inf	1
LOC100130370	0	0	0	1
EMILIN2	0	0.00313868	inf	1
ST8SIA3	0	0	0	1
MC2R	0	0	0	1
SLC25A52	0	0	0	1
MRO	0	0	0	1
MADCAM1	0	0.0153052	inf	1
HCN2	0	0.0490704	inf	1
ELANE	0	0	0	1
GRIN3B	0	0	0	1
PLK5	0	0	0	1
S1PR4	0	0.0356527	inf	1
ATCAY	0	0.0102724	inf	1
CREB3L3	0	0	0	1
MIR7-3HG	0	0	0	1
LOC100128568	0	0.123345	inf	1
C19orf80	0	0.0411586	inf	1
CASP14	0	0	0	1
ZNF570	0	0	0	1
LOC644554	0	0	0	1
RYR1	0	0.00505389	inf	1
CYP2G1P	0	0	0	1
LOC100505622	0	0.0541962	inf	1
IRGC	0	0	0	1
APOC1P1	0	0.0672051	inf	1
IGFL2	0	0.0282525	inf	1
DACT3-AS1	0	0.0103655	inf	1
CD37	0	0.119432	inf	1
GPR32	0	0	0	1
ERVV-1	0	0.0390052	inf	1
ZNF818P	0	0	0	1
TTYH1	0	0.0327892	inf	1
LILRB1	0	0	0	1
ZNF542	0	0	0	1
ZFP28	0	0	0	1
CSNK1G2-AS1	0	0.0418059	inf	1
LINGO3	0	0	0	1
FUT5	0	0.0170627	inf	1
TUBB4A	0	0.00814623	inf	1
KLF1	0	0.0153371	inf	1
CALR3	0	0	0	1
ZNF99	0	0.00183591	inf	1
FAM187B	0	0.0286401	inf	1
COX7A1	0	0	0	1
ZFP82	0	0.00781415	inf	1
WDR87	0	0	0	1
CYP2A6	0	0	0	1

PSG9	0	0	0	1
ZNF229	0	0	0	1
EXOC3L2	0	0.0102674	inf	1
PGLYRP1	0	0.133908	inf	1
GNG8	0	0.644853	inf	1
CABP5	0	0	0	1
KLKP1	0	0	0	1
KLK4	0	0.0373482	inf	1
LOC147646	0	0.0294026	inf	1
HAS1	0	0.0363067	inf	1
ZNF677	0	0	0	1
LILRB3	0	0.0453956	inf	1
TMEM150B	0	0	0	1
ZSCAN5B	0	0.0294068	inf	1
LOC100506274	0	0.0113847	inf	1
LINC00570	0	0.00933616	inf	1
VSNL1	0	0.00449771	inf	1
KCNK3	0	0	0	1
DPYSL5	0	0.00281471	inf	1
LBH	0	0	0	1
QPCT	0	0	0	1
SIX3	0	0.00777253	inf	1
TMEM247	0	0	0	1
ARHGAP25	0	0	0	1
VAX2	0	0.0396533	inf	1
ATP6V1B1	0	0	0	1
ACTG2	0	0.0547116	inf	1
LOC284950	0	0.00324375	inf	1
C2orf40	0	0	0	1
FBLN7	0	0	0	1
PROC	0	0	0	1
MYO7B	0	0.00234796	inf	1
CCDC74B-AS1	0	0	0	1
ARHGEF4	0	0.00608647	inf	1
TUBA3D	0	0.0364726	inf	1
B3GALT1	0	0	0	1
KLHL30	0	0.0206502	inf	1
REG3A	0	0	0	1
FABP1	0	0	0	1
LOC442028	0	0	0	1
ADRA2B	0	0	0	1
C1QL2	0	0	0	1
TUBA3E	0	0	0	1
RAPGEF4-AS1	0	0.00439297	inf	1
CCDC141	0	0.000980007	inf	1
LOC100130452	0	0	0	1
LOC100130451	0	0.00630905	inf	1
EPHA4	0	0	0	1
GPR55	0	0	0	1

C2orf54	0	0	0	1
RAD21L1	0	0	0	1
TMC2	0	0.00397766	inf	1
OXT	0	0	0	1
CST7	0	0	0	1
HCK	0	0	0	1
ASIP	0	0.0942792	inf	1
LOC100287792	0	0.00574745	inf	1
HNF4A	0	0	0	1
TCEA2	0	0.0362051	inf	1
GFRA4	0	0	0	1
LINC00658	0	0	0	1
LINC00654	0	0.0124356	inf	1
CD93	0	0	0	1
NCOR1P1	0	0	0	1
TSPY26P	0	0	0	1
KCNQ2	0	0	0	1
SRMS	0	0	0	1
CHODL	0	0	0	1
DSCR6	0	0.0126584	inf	1
B3GALT5	0	0	0	1
ABCG1	0	0	0	1
PCBP3	0	0	0	1
COL6A2	0	0.00519263	inf	1
ADAMTS5	0	0.000892548	inf	1
DNMT3L	0	0	0	1
COL18A1-AS1	0	0.0227343	inf	1
SPATC1L	0	0.13574	inf	1
P2RX6	0	0.00536592	inf	1
UPB1	0	0.0116817	inf	1
MGAT3	0	0	0	1
RIMBP3C	0	0.0178023	inf	1
GSTTP1	0	0	0	1
LOC100128531	0	0.0164093	inf	1
PDGFB	0	0	0	1
A4GALT	0	0	0	1
MLC1	0	0	0	1
FBLN2	0	0	0	1
GALNT15	0	0	0	1
ITGA9	0	0.00310748	inf	1
MOBP	0	0.00933593	inf	1
MYRIP	0	0	0	1
FAM198A	0	0	0	1
CXCR6	0	0.0109142	inf	1
CCDC36	0	0.0185985	inf	1
GNAT1	0	0.00506429	inf	1
C3orf14	0	0.0598477	inf	1
OR5K2	0	0.0380332	inf	1
ST3GAL6	0	0.0135438	inf	1

CD200	0	0.00968137	inf	1
NR112	0	0	0	1
FBXO40	0	0.00186415	inf	1
KBTBD12	0	0.00197458	inf	1
ALG1L2	0	0.0134009	inf	1
COL6A4P2	0	0.00112776	inf	1
TF	0	0.00689234	inf	1
C3orf79	0	0	0	1
C3orf80	0	0.00581	inf	1
ARL14	0	0.00626224	inf	1
KCNMB2	0	0.0119752	inf	1
FETUB	0	0	0	1
TPRG1	0	0.00234861	inf	1
LOC100507391	0	0	0	1
ATP2B2	0	0.0042669	inf	1
XIRP1	0	0.00577411	inf	1
PRSS50	0	0	0	1
TMEM89	0	0	0	1
TLR9	0	0.00857937	inf	1
FRMD4B	0	0	0	1
SLC9C1	0	0	0	1
BTLA	0	0.00277988	inf	1
ZNF80	0	0.00364004	inf	1
HGD	0	0.00571545	inf	1
MUC13	0	0.0035731	inf	1
UROC1	0	0	0	1
DNAJB8	0	0	0	1
GATA2	0	0	0	1
SNORA58	0	0	0	1
TMEM14E	0	0.0440406	inf	1
LOC100507537	0	0.0143527	inf	1
SERPINI2	0	0	0	1
LOC100128164	0	0.00539549	inf	1
KLHL6	0	0	0	1
LEPREL1	0	0	0	1
ATP13A5	0	0	0	1
MUC4	0	0	0	1
ZDHHC19	0	0	0	1
S100P	0	0.0328456	inf	1
C4orf19	0	0.00227941	inf	1
RHOH	0	0	0	1
ENAM	0	0	0	1
CXCL13	0	0	0	1
EGF	0	0.00177207	inf	1
SYNPO2	0	0	0	1
ADAD1	0	0.00427501	inf	1
IL15	0	0.0102189	inf	1
POU4F2	0	0	0	1
MAB21L2	0	0.0478694	inf	1

TRIML1	0	0	0	1
OTOP1	0	0	0	1
ZNF518B	0	0.00139332	inf	1
PROM1	0	0.00219992	inf	1
UGT2A1,UGT2A2	0	0	0	1
CCDC158	0	0.00497605	inf	1
COL25A1	0	0	0	1
NDNF	0	0	0	1
GK3P	0	0.0148909	inf	1
SPOCK3	0	0	0	1
SPATA4	0	0	0	1
CLDN24	0	0.0178456	inf	1
SLED1	0	0.0163765	inf	1
LRRC14B	0	0	0	1
CDH6	0	0.00204047	inf	1
TTC23L	0	0	0	1
GHR	0	0	0	1
DDX4	0	0.00340748	inf	1
FAM81B	0	0.00615971	inf	1
LOC728342	0	0.00291011	inf	1
FAM170A	0	0	0	1
C5orf48	0	0.100886	inf	1
SLC25A48	0	0	0	1
TGFBI	0	0.0483002	inf	1
LOC100505658	0	0	0	1
KCTD16	0	0.00455636	inf	1
TENM2	0	0	0	1
LOC285593	0	0.00515918	inf	1
CDHR2	0	0.0270777	inf	1
FAM153C	0	0.00938938	inf	1
LOC442132	0	0	0	1
SEMA5A	0	0	0	1
AGXT2	0	0	0	1
PLK2	0	0.0109203	inf	1
LOC100303749	0	0	0	1
GUSBP9	0	0.0753726	inf	1
PCSK1	0	0	0	1
SLC23A1	0	0.00637583	inf	1
CD74	0	0.0206482	inf	1
EBF1	0	0	0	1
GMCL1P1	0	0	0	1
CBY3	0	0	0	1
FLT4	0	0.0155739	inf	1
HULC	0	0.101058	inf	1
EDN1	0	0.00546246	inf	1
MCCD1	0	0.0268557	inf	1
PNPLA1	0	0.00512599	inf	1
GUCA1A	0	0.0187154	inf	1
WISP3	0	0.00696335	inf	1

PLN	0	0.0119829	inf	1
LAMA2	0	0	0	1
SUMO4	0	0.031999	inf	1
QKI	0	0	0	1
SMOC2	0	0	0	1
LINC00518	0	0.00334706	inf	1
NEDD9	0	0.00279762	inf	1
HIST1H3I	0	0	0	1
HLA-DPA1	0	0.00690061	inf	1
DLK2	0	0.0262129	inf	1
IL17F	0	0.0192991	inf	1
LINC00472	0	0.00383577	inf	1
SRSF12	0	0.0103534	inf	1
BACH2	0	0	0	1
GSTM2P1	0	0.00900253	inf	1
OR2A4	0	0	0	1
NHEG1	0	0	0	1
RAET1E	0	0	0	1
TFAMP1	0	0	0	1
ITGB8	0	0	0	1
JAZF1-AS1	0	0.0576645	inf	1
FKBP6	0	0.00879902	inf	1
GRM3	0	0	0	1
CYP3A43	0	0	0	1
CPA2	0	0.00865682	inf	1
TAS2R4	0	0.0318545	inf	1
EPHA1-AS1	0	0	0	1
CNTNAP2	0	0	0	1
EN2	0	0.00490515	inf	1
GRID2IP	0	0	0	1
NPC1L1	0	0.0091969	inf	1
ZNF733P	0	0	0	1
TRIM50	0	0.0183936	inf	1
CCL26	0	0	0	1
CALCR	0	0	0	1
RELN	0	0.000828965	inf	1
TMEM176B	0	0.0244896	inf	1
LOC157273	0	0	0	1
SFTPC	0	0	0	1
LOC100287846	0	0.00317009	inf	1
SOX17	0	0	0	1
TRIM55	0	0.00490623	inf	1
ATP6V0D2	0	0	0	1
SDC2	0	0	0	1
TRHR	0	0	0	1
SAMD12-AS1	0	0.0369433	inf	1
ANGPT2	0	0.022561	inf	1
SGCZ	0	0	0	1
PNMA2	0	0.0111322	inf	1

ADRA1A	0	0.017001	inf	1
LOC728024	0	0.00610072	inf	1
FAM150A	0	0	0	1
FABP12	0	0	0	1
CDH17	0	0	0	1
SNX31	0	0.00453491	inf	1
NCALD	0	0.00286221	inf	1
CSMD3	0	0	0	1
ASAP1-IT1	0	0.0195007	inf	1
HPYR1	0	0.0223117	inf	1
CCDC166	0	0	0	1
EPPK1	0	0.00499114	inf	1
DMRT1	0	0.0161453	inf	1
TEK	0	0	0	1
FAM189A2	0	0	0	1
MAMDC2	0	0	0	1
NXNL2	0	0.00829848	inf	1
LOC158435	0	0	0	1
OR1Q1	0	0	0	1
LMX1B	0	0.00263179	inf	1
C9orf171	0	0.00886573	inf	1
ADAMTSL2	0	0.00472356	inf	1
LOC100128593	0	0.0141128	inf	1
LCN12	0	0.109933	inf	1
FAM157B	0	0	0	1
FLJ35024	0	0.0136101	inf	1
SCARNA8	0	0	0	1
OR13J1	0	0.0206441	inf	1
LOC653501,ZNF6	0	0.00166106	inf	1
TMEM252	0	0	0	1
TRPM3	0	0	0	1
PRUNE2	0	0.00215798	inf	1
RASEF	0	0	0	1
OMD	0	0	0	1
ASPN	0	0	0	1
FAM22F	0	0	0	1
GABBR2	0	0.00236431	inf	1
STOM	0	0.0226331	inf	1
NRON	0	0.0189518	inf	1
XG	0	0.00284779	inf	1
LOC100288814	0	0.0497072	inf	1
TLR7	0	0.00163578	inf	1
CXorf30	0	0	0	1
LANCL3	0	0	0	1
NYX	0	0	0	1
GPR82	0	0.00868263	inf	1
TRO	0	0	0	1
PAGE2B	0	0.0520192	inf	1
FAM133A	0	0	0	1

PIH1D3	0	0	0	1
LUZP4	0	0.00576498	inf	1
SH2D1A	0	0	0	1
CD40LG	0	0.00578264	inf	1
SLITRK2	0	0	0	1
MAGEA8	0	0	0	1
OPN1LW	0	0	0	1
TKTL1	0	0	0	1
VCX3A	0	0	0	1
SHROOM4	0	0	0	1
RGAG4	0	0	0	1
SLC25A53	0	0.0132825	inf	1
COL4A6	0	0	0	1
SNORA69	0	0	0	1
IGSF1	0	0	0	1
SPANXE	0	0	0	1
MAGEA10,MAGE.	0	0.00749828	inf	1
L1CAM	0	0.00302997	inf	1
MPP1	0	0	0	1
RAB39B	0	0	0	1

Supplemental Table 4: Average percentage of bacteria/SCVs which stain positive for LAMP-1 and/or SLC7A5 over the infection timecourse in control and CAP-D3 shRNA

% bacteria staining positive for LAMP1 alone

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	56%	29%
2 hrs	49%	22%
4 hrs	33%	9%
7 hrs	20%	24%

% bacteria staining positive for LAMP1 in total

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	70%	58%
2 hrs	61%	56%
4 hrs	66%	55%
7 hrs	67%	66%

% bacteria staining positive for SLC7A5 alone

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	15%	20%
2 hrs	17%	32%
4 hrs	27%	40%
7 hrs	23%	27%

% bacteria staining positive for SLC7A5 in total

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	29%	49%
2 hrs	29%	66%
4 hrs	60%	86%
7 hrs	70%	69%

% bacteria staining positive for LAMP1 and SLC7A5

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	14%	29%
2 hrs	12%	34%
4 hrs	33%	46%
7 hrs	47%	42%

* p<0.05

Supplemental Table 5: Average percentage of bacteria/SCVs which stain positive for LAMP-1 and/or mTOR over the infection timecourse in control and CAP-D3 shRNA

% bacteria staining positive for LAMP1 alone

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	38%	24%
2 hrs	40%	9%
4 hrs	29%	13%
7 hrs	23%	12%

*

*

% bacteria staining positive for LAMP1 in total

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	64%	64%
2 hrs	73%	62%
4 hrs	71%	67%
7 hrs	83%	60%

% bacteria staining positive for mTOR alone

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	14%	16%
2 hrs	15%	30%
4 hrs	16%	20%
7 hrs	11%	25%

% bacteria staining positive for mTOR in total

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	40%	56%
2 hrs	48%	83%
4 hrs	58%	74%
7 hrs	71%	73%

*

% bacteria staining positive for LAMP1 and mTOR

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	26%	40%
2 hrs	33%	53%
4 hrs	42%	54%
7 hrs	60%	48%

*

* p<0.05

Supplemental Table 6: Average percentage of bacteria/SCVs which stain positive for LAMP-1 and/or mTOR over the infection timecourse in control and CAP-D3 shRNA + BCH

% bacteria staining positive for LAMP1 alone

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	45%	48%^
2 hrs	50%	46%^
4 hrs	48%^	55%^
7 hrs	54%^	53%^

% bacteria staining positive for LAMP1 in total

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	67%	71%
2 hrs	71%	70%
4 hrs	84%	90%^
7 hrs	89%	88%^

% bacteria staining positive for mTOR alone

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	8%	6%
2 hrs	6%	7%^
4 hrs	1%^	1%^
7 hrs	1%^	1%^

% bacteria staining positive for mTOR in total

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	30%	29%^
2 hrs	27%^	31%^
4 hrs	37%^	36%^
7 hrs	35%^	35%^

% bacteria staining positive for LAMP1 and mTOR

Hrs post-infection	Control shRNA expressing cells	CAP-D3 shRNA expressing cells
0.5 hrs	22%	23%
2 hrs	21%	24%^
4 hrs	36%	35%^
7 hrs	35%^	34%^

^ p<0.05 (comparison between experiments in Supplemental Table 5 with no BCH treatment and experiments in this Table with BCH treatment)