

TABLE S1	Neutralization Potency (nM) in TZM-bl Cells																
	HIV-1			SIVcpzPtt						SIVgor			SIVcpzPts				Geometric Mean <sup>a</sup>
	SG3	YU-2	JRCSF	GAB-1	GAB-2	EK505	LB715	MB897	MT145	CP2139	BF1167	TAN-1	TAN-2	TAN-3	TAN-13		
<b>CD4bs</b>																	
VRC-01	0.29	0.84	2.81	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
VRC-03	0.3	0.22	0.63	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
VRC-PG04	0.45	0.76	2.07	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
VRC-CH30	6.73	1.09	3.07	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
VRC-CH31	7.89	0.65	1.28	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
F105	5.3	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
b13	22.2	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
NIH45-46G54W	0.02	0.16	0.41	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
45-46m2	0.14	0.28	0.71	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
45-46m7	1.06	0.34	0.78	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
<b>MPER</b>																	
4E10	6.68	>67	24.06	7.94	14.25	15.97	12.63	16.30	17.93	>67	32.93	62.30	>67	15.26	>67	18.10	75%
10E8	5.67	19.27	3.07	0.20	1.53	7.27	0.87	7.20	7.20	34.20	6.20	7.20	9.40	1.47	24.40	4.39	100%
<b>Glycan-dependent</b>																	
PG9	>67	16.33	0.06	0.69	>67	3.19	>67	0.63	0.51	>67	>67	38.30	>67	>67	>67	1.93	42%
PG16	>67	0.55	0.01	0.07	>67	2.58	>67	0.32	0.15	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0.30	33%
PGT145	>67	3.50	0.22	3.85	>67	0.39	>67	1.93	6.64	13.28	>67	>67	>67	>67	>67	3.03	42%
10-1074	0.86	1.81	0.83	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
PGT121	0.97	1.05	0.63	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
PGT128	>67	1.01	0.11	>67	>67	0.13	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0.13	8%
PGT135	0.77	>67	6.61	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
2G12	4.63	>67	6.92	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
8ANC195	8.67	7.80	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
35O22	0.87	>67	>67	>67	>67	>67	3.33	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	8%
PGT151	0.13	14.07	0.47	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
PGT152	0.20	2.00	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
PGT158	0.60	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	>67	0%
<b>Llama</b>																	
JM4	36.03	67.17	6.82	7.20	>100	>100	>100	>100	>100	>100	>100	>100	>100	>100	>100	7.20	8%
J3	0.21	1.35	10.52	1.47	38.65	>100	38.07	>100	>100	>100	>100	>100	>100	>100	>100	12.92	25%
3E3	0.27	0.22	12.42	1.61	27.96	>100	10.83	10.60	>100	>100	>100	>100	>100	>100	>100	8.48	33%
2E7	11.44	>100	46.63	>100	20.14	92.89	20.42	>100	42.66	>100	55.84	>100	>100	>100	>100	39.07	42%
11F1F	11.62	>100	47.42	>100	21.24	91.12	22.56	>100	43.52	>100	54.79	>100	>100	>100	>100	40.13	42%
Bi-2H10	61.42	>75	34.44	>75	>75	>75	>75	>75	>75	>75	>75	>75	>75	>75	>75	>75	0%
<b>Anti-receptor</b>																	
iMab	>67	>67	0.46	34.21	0.86	58.49	0.69	0.36	0.48	>67	22.40	0.98	23.83	0.68	0.96	2.76	92%
LM52	>67	0.64	0.23	1.59	0.50	0.25	0.23	0.22	0.43	22.53	0.46	0.35	1.17	0.76	3.21	0.77	100%
PRO140	>67	2.61	23.81	2.16	0.68	0.80	4.87	1.57	1.02	3.07	1.41	7.97	15.46	1.12	3.43	2.27	100%
PG9-iMab	>48	35.32	0.10	2.56	0.15	0.15	2.08	0.85	0.04	>48	0.09	1.13	3.21	0.67	>48	0.50	83%
PG16-iMab	>48	5.54	0.13	19.68	0.16	0.51	27.24	2.12	0.04	>48	0.15	5.51	5.94	0.83	>48	1.31	83%
LM52-PGT128	>48	0.28	0.14	2.09	0.02	1.94	0.91	0.67	0.12	7.49	0.37	0.95	0.32	0.33	22.52	0.75	100%
PRO140-10E8	0.14	1.65	0.61	0.12	0.08	0.03	0.17	0.10	0.10	0.37	0.03	0.34	0.44	0.10	0.52	0.13	100%
<b>CD4-based</b>																	
sCD4	3.05	16.97	155.3	4.23	9.70	>244	126.9	>244	32.12	90.61	21.07	221.2	58.27	112.79	130.21	47.66	83%
CD4-Ig	0.21	2.70	24.29	1.19	4.40	84.74	79.09	94.40	12.11	33.46	6.31	>109	19.14	78.49	76.79	23.05	92%
PRO542	0.03	0.55	5.33	0.36	1.41	41.60	36.81	>47	2.06	7.18	1.85	>47	4.82	12.62	11.85	5.24	83%
CD4-anti-HSV-gD	7.50	41.57	30.89	19.84	38.81	40.90	25.87	36.19	42.02	46.19	34.57	42.00	42.30	30.28	43.37	35.92	100%
CD4-GS7-E51	1.01	>50	21.03	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	>50	0%
CD4-L1-E51	0.20	0.35	29.31	0.85	2.69	>50	16.93	>50	4.36	4.80	15.63	>50	1.75	22.69	4.33	5.05	75%
CD4-L14-E51	0.04	1.01	42.31	0.98	3.10	>50	24.49	>50	5.22	11.21	36.27	>50	2.68	35.92	5.84	7.64	75%
CD4-L17-E51	0.47	2.46	>50	0.05	7.26	>50	>50	>50	17.61	26.21	>50	>50	8.08	>50	16.87	5.23	50%
CD4-218.3-E51	0.95	2.39	7.24	2.21	7.08	26.25	9.42	32.14	5.16	4.18	5.66	22.52	3.60	19.73	5.09	8.40	100%
eCD4-Ig	0.01	0.26	2.05	0.19	0.97	23.67	8.84	47.19	2.08	4.95	1.03	35.20	2.07	12.98	7.30	4.75	100%
eCD4-Ig <sup>min2</sup>	0.03	0.39	3.78	0.22	1.54	27.36	14.22	70.87	2.34	7.19	1.83	38.18	3.18	16.05	10.18	6.49	100%
eCD4-Ig <sup>Q46Amim2</sup>	0.02	0.25	0.69	0.20	0.89	23.70	7.45	81.38	4.89	2.07	98.69	>104	103.0	70.15	>104	10.65	83%
CD4-218.3-E51-mim2	0.34	2.64	29.46	14.70	0.38	7.83	3.38	3.30	2.98	4.88	2.22	4.00	44.17	0.76	6.22	3.92	100%
CD4-218.3-E51-T20	1.75	8.75	4.45	4.64	7.86	14.62	14.15	23.38	5.27	8.78	6.33	11.55	1.40	3.91	11.12	7.58	100%

<sup>a</sup>Geometric mean calculations include only values from SIVcpz and SIVgor strains that reached an IC<sub>50</sub> at the highest concentration tested

<sup>b</sup>Includes only SIV strains