

Domain	hydrophobic motif	polar motif	WPY triad	RT / n- <i>Src</i> loop lengths
Abp1 family				
AgAbp1-D1	YDY	ELTF	WPY	18 / 4
ScAbp1-D1	YDY	ELTF	WPY	18 / 4
CaAbp1-D2	YDY	EIGF	WPY	18 / 4
CaAbp1-D1	YDY	EIGF	WPY	18 / 4
SpAbp1-D2	YDY	ELSF	WPY	18 / 4
SpAbp1-D1	YDY	EIEL	WPY	18 / 4
<p style="text-align: center;"> 14 24 34 44 54 </p> <pre> AgAbp1-D1 PTA IAEYDY EAG EDN ELTF E EGDV IVN ID FVDDDDW W LG ELQ KTGQ KGL F P SNYV ELQ Q ScAbp1-D1 PWATAEYDY DAA EDN ELTF V ENDK IIN IEFVDDDDW W LG ELEKDG SKGL F P SNYV SLGN CaAbp1-D2 KTATAEYDY EKDEDN EIGF S EGD L IVE IEFVDDDDW W QGKHSKTG EVGL F P ANYV VLNE CaAbp1-D1 TTATAEYDY EKDEDN EIGF S EGD L IID IEFVDDDDW W QGKHAKTGEVGL F P ATYV SLNE SpAbp1-D2 KSVKAIYDYQ AQ EDN ELSF F EDE I IANVDCVDPN W W EGEC - H - GHRGL F P SNYV EE - I SpAbp1-D1 TPA IV IYDY S PEEEN E IELV EN EQ IQ ILEFVDDGW W LG ENSK - GQQGL F P SNYV EITG </pre>				
Bbc1 family				
AgBbc1	YTY	DLNF	WPY	18 / 4
ScBbc1	FPY	DLSF	WPF	18 / 4
CaBbc1	FDY	DLNF	WPF	18 / 4
SpBbc1	YPY	DLEF	WPF	18 / 4
<p style="text-align: center;"> 10 20 30 40 50 </p> <pre> AgBbc1 FDV IAKYTY ES IHDG DLNF FEDGQR IEV ISIEDNQW W YYGH FVDGAGNEQ EG I F P KNYV EVAQ ScBbc1 FKVVAQFPYK SDYED DLNF EKDQE I I V T S V E D A E W Y F G E Y Q D S N G D V I E G I F P K S F V A V Q G CaBbc1 MKVKA I FDYK SDYED DLSFDAGT I I N I I S V E N D E W Y S G E Y D - - - G - - K Q G M F P K N F V E E L K SpBbc1 TRVVALY P Y R S S F S D D L E F D P G Q V I D V V S N L D G D W Y T G T Y V D S D G N R K I G S F P K D E T E P A E </pre>				
Bem1 family				
ScBem1-D1	YSY	ELSF	WPY	18 / 3
CaBem1-D1	YDY	ELKF	WPY	18 / 13
SpBem1-D1	YDY	EVSF	WPH	18 / 5
AgBem1-D1	YTY	ELSF	WPY	18 / 3
AgBem1-D2	YDF	ELSA	WPF	18 / 4
CaBem1-D2	YEF	ELDI	WPY	18 / 4
ScBem1-D2	YDF	ELTT	WPF	18 / 4
SpBem1-D2	FDF	ELEA	WPF	18 / 4
CaBem1-2	YDF	EISV	WPY	18 / 4
AgBem1-2	QDY	FLNV	LPC	no model produced
<p style="text-align: center;"> 37 47 57 67 77 87 97 </p> <pre> ScBem1-D1 KV IAKY SYQAQTSK-----ELSFMEGEFFVYVSG-DEK-----DWYKASNPST-GKEGVVPKTYFEVFD CaBem1-D1 KV IRLYDYEPQGGP-----ELKFFKGDFFHV LDDVDELHKEAEANGWIEATNPMT-QLKGMVPISYFEIFD AgBem1-D1 IILKALYTYHAQSPG-----ELSFNKGELFQVNG-EDG-----EWYEVSTEG-GRKGMVPSYFEQVS SpBem1-D1 KV IRLYDY TARKAT-----EVSFAKGDFFHV IGR END-----KAWYEVCPAA-GTRGFVPVSHFEEIG AgBem1-D2 LYAIVLYDFKAEKSD-----ELSAFAGENLFICAHHNFE-----WFIAKP IGR LGGPGLVPGFVSIID CaBem1-D2 LYAVTLYEFKAERDD-----ELDIMPENL IICAHHDYE-----WFIAKP INR LGGPGLVPSVVKIID ScBem1-D2 LYAIVLYDFKAEKAD-----ELTTYVGENLFICAHHNCE-----WFIAKP IGR LGGPGLVPGFVSIID SpBem1-D2 LFGIVQDFFAAERPD-----ELEAKAGEA I I I IAR SNHE-----WLVAKP IGR LGGPG L I P L S F I Q L R D CaBem1-2 VILVTKYDFVAEGEN-----EISV NKGDLVKLIDRLGNG-----WLVVKYIDRVQPPGLIPASVVDIAV AgBem1-2 LYYNVVDYFLPNSEEDAAGRRGFLNVRRRGD I V L H L E Q A E N N-----L V Y V K L M N M - L G E G L V P A R C L A V N R </pre>				

Domain	hydrophobic motif	polar motif	WPY triad	RT / n-Src loop lengths
Boi2 family				
AgBoi2	NEY	DELD	WPF	18 / 8
ScBoi2	NEY	DELD	WPF	18 / 8
ScBoi1	NQY	DELN	WPF	18 / 8
CaBoi2	KQF	DELS	WPF	18 / 8
SpBoi2	HSF	DELP	WPH	18 / 8
<pre> AgBoi2 GTY IA INEY SKRM EDELD MKKPGDK IEV ITDDQ EYNDGWY FGRN LRTGEEGLY PKLFTQ ELS ScBoi2 PMY IA INEY FKRM EDELD MKKPGDK IKV ITDDEEYKDGWY FGRN LRTNEEGLY PVVFTQ K IT ScBoi1 PLY IAVNQY SKRM EDELN MKKPGDK IKV ITDDGEYNDGWY YGRN LRTKEEGLY PAVFTKR IA CaBoi2 DTY IC IKQFNAR LGDELS LK IGDK IQV LADDR EYNDGWY MGKN LLLTGEAGLY PKTFTQ L IT SpBoi2 R FV IALHSF PGKSSDELP LV EGRK YLL IKM DEEFGDGWY WEGEDE -QGNRG IFPA SHVEL IS </pre>				
Bud14 family				
AgBud14	YAF	HCRL	WPI	18 / 5
CaBud14	YDF	HCTL	WPC	18 / 5
ScBud14	YAF	HCQL	WPI	18 / 5
SpBud14	RGF	QVDA	WPY	18 / 5
<pre> AgBud14 GKLYA LYAFQ GPDPSHCRLEPDESC ILLNDQDSYMWLVKRC-----GDGK IGFA PAEILETFP CaBud14 DKLYGLYDFSGPDP SHCTLSVDEPVY LIND EDNYMWLIRK LTKLERLKRMLNGQ EFQ ID IESDEEDGK IGFVPAECLETHG ScBud14 DKLYA LYAFNGHDSHCQLGQDEPC ILLNDQDAYMWLVKRI-----TDGK IGFA PAEILETFP SpBud14 N FVHA TRGF EATVEGQVDA TKGDMM ILLDDSNSYMWLVKMC-----KNLA IGYLPAEYIETPS </pre>				
Bzz1 family				
AgBzz1-D1	FPY	EVTI	WPY	18 / 5
ScBzz1-D1	YAY	EITI	WPY	18 / 5
AgBzz1-D2	YDY	EISI	WPY	18 / 5
CaBzz1-D1	YDY	ETTI	WPY	18 / 5
ScBzz1-D2	YAY	EISI	WPY	18 / 5
CaBzz1-D2	YDY	EISI	WPY	18 / 6
SpBzz1-D1	YDF	VITA	WPY	18 / 5
SpBzz1-D2	YAY	ELSI	WPY	18 / 5
<pre> AgBzz1_1 GGNRV LFPYTKQDED EVTIAPGNS IVLLRQD -DGS GWVVK IRNASTQQ EGLV P STYVEINE ScBzz1_1 GKNKVL YAVVQKDDD EITITPGDK ISLVARD -TGS GWTK INNDTTGETGLV PTTYIRISS AgBzz1_2 -KVTA IYDYSAQDDD EISIRAGDV IKVLRGD -TGNGW TYGEV--NG SKGLFP SNYC---N CaBzz1_1 IQARA LYDYTAAGSD ETTIVAGDQ LSV IEED -DGS GWTMVNGP--QGQ GLVPTS YIEIT S ScBzz1_2 RTMEA IYAYEAQGDD EISIDPGDIITV IRGD -DGS GWTYGEC--GLKGLFP TSYC---K CaBzz1_2 QYLEA LYDYTAGDDE ISITAGDR IVLVQDDTDGS GWTEGELN--GQTGM FPTS YVKK- I SpBzz1_1 VDGVV LYDFTGEHEG VITASEGQ EFTLLEPD -DGS GWVRVK ID--GTDGL IPAS YVKLND SpBzz1_2 S-VKA LYAYTAQSDM ELSIQEGDI IQVTNRN -AGNGW SEGIL--NGVTGQ FAN YVTD-V </pre>				

Domain	hydrophobic motif	polar motif	WPY triad	RT / n-Src loop lengths
Cdc25 family				
AgCdc25	CDF	HLPL	WPY	18 / 3
CaCdc25	YDF	HLPL	WPY	18 / 3
SpCdc25	SDY	FLKF	WPC	19 / 3
ScCdc25	YDF	LLSV	WPF	23 / 3
CaCdc25-2	HSF	CLSF	WPY	25 / 3
AgCdc25-2	HAF	CLSF	WPY	25 / 3
<pre> AgCdc25 DVVRA L CDFVPLK-----KQH LPLKAGDVVYVLSRHESG W CDG IIEEQ TAKGNSTVTQCQRGW FPR T Y TRS IR CaCdc25 DTV IAL YDFP GTQ-----SSH LPLNLGDT IHVLSK SATG W WDG VVMGN-----SG ELQRGW FPHN Y VR SVN SpCdc25 FQTTA I SDYENSS-----NPS FLKFSAGDT IIV IEVLEDG W CDG ICSE-----KRGW FPTS C IDSSK ScCdc25 GIVVAA YDFNYP IKKD--SSSQ LLSVQQGET IY ILNKNSSG W WDG LV IDD-----SNG KVNRRGW FPN FGRPLR CaCdc25-2 FFIRAL HSFDSSTLQSKSDAS ICLSF EKNDIA FLHT IDESG W GEVTLLE-----TLQ TGW IPM NY FSLV AgCdc25-2 LFIVS I HAFD SQ ILENK EDAT ICLSF EKNELA FVHTVDES G W GEVTLVK-----SGRRGW VPFNY FADVV </pre>				
Cyk3 family				
AgCyk3	YGW	DLGF	WPY	18 / 3
ScCyk3	YGW	DLGF	WPF	18 / 3
CaCyk3	VSW	DLGF	WPY	18 / 4
SpCyk3	YAW	DLKF	WPF	18 / 4
<pre> AgCyk3 FKVKAV YSW SG EHEQ D LG F LESD IIEVTK -VKGN W LYGRLL-RNKKSGY F FVNY VQVLY ScCyk3 FKVKARY YGW SGQTKGD LG F LEGD IM EVTR -IAGSW FYGKLLRNKKCSGY FPHN FVILLE CaCyk3 FKVKT IVSW AGE EEGD LG F MENEIVQVFSIVDES W WSGKLR-RNGAEG I FPKDYVTILE SpCyk3 CMVRA LYAW PGEREGD LK F TEGDL IECLS IGDGK W W IGRHI-NTNTQG I FFSN FVHCLD </pre>				
Fus1 family				
ScFus1	QDY	DEIR	WPC	18 / 5
AgFus1	KPF	DEIE	WPC	18 / 5
CaFus1	RSY	DELN	WPC	18 / 5
<pre> ScFus1 KTYTV IQDY EPRLT DEIR ISLGEKVK ILATHD G W CLVEKCNTRKGT IH--VSVDKRY LNERG IVP GD C LQ EYD AgFus1 DLCVV IKP FSPRLD EIE LN IDEQVRV LARHTD G W CLVEKCD SAK SADSDSDN ISAPNY LNERG IVP QM C LKHVF CaFus1 SLYTV I RSYNK SLG DELN IEVGDKAV ILEKHS D G W CKIRLV RMGKDYNN-----HQ LSSD IGLV P KM C LQ --K </pre>				
Hof1 family				
ScHof1	YPL	LANF	WPF	19 / 4
AgHof1	YSF	ILYF	WPY	19 / 4
SpHof1-2	YDY	EISF	WPF	18 / 4
SpHof1-3	YAY	EIDL	WPY	18 / 4
SpHof1	YDY	EISF	WPF	18 / 4
CaHof1	YSF	ELYF	WPY	18 / 4
<pre> ScHof1 EYAKAM YPL IGNEAP G LAN F H KGDYLLITE IVNKD W YKGEVYDNDRIDRNHR IGL IPYN F IQLLH AgHof1 GYARA IY SFT EPNDND ILY F EMGDHLLLEK LNTD W Y IGEVHN-----GNGKQL IPMN Y V ELLS SpHof1-2 GYV IAL YDY Q AQ I-PE E IS F Q KGD TLMV LRTQ EDG W W DGE I INV-----PNSKRGLF P SN FVQ --T SpHof1-3 A YVRA LYAY KATL-P S E ID L NVDDT LVV LNRQ KDG W W KGLV VSP-----TVGR IGL F P SN Y IEELE SpHof1 GYV SA LYDY DAA I-PE E IS F R KGD T IAV LK LY EDG W W EG FVVG E-----DDHNRGQ F P SN F VREIE CaHof1 TKA IARY S F K PQT-EG ELY F K KGW KMY I IHKQ EDN W W FVC ELGDNCL-Q SSGM IGLV P GNY I VEGD </pre>				
Hse1 family				
AgHse1	FDL	ELSF	WPY	18 / 4
ScHse1	YDL	ELSF	WPF	18 / 4
CaHse1	YDL	ELSF	WPY	18 / 4
SpHse1	YDF	ELSF	WPF	18 / 4
<pre> AgHse1 RRVKA I FDL NASEPD ELSF K KGDV ITV IEQVYKD W W RGLLR-GKVG I F P VNY VGVCP ScHse1 RRVRA LYDL TTN EPD ELSF R KGDV ITV LEQVYRD W W KGA LR-GNMG I F P LNY VTP IV CaHse1 SKVRA LYDL VSY EPD ELSF R KGDV ITV IESVYRD W W RGS LPSGK IG I F P LNY VTP IV SpHse1 SRVRA LYD F AAT EQ G ELSF K KGD IILV LESVYKD W W KGSCK-NAVG I F P VNY VQ RVV </pre>				

Domain	hydrophobic motif	polar motif	WPY triad	RT / n-Src loop lengths
Lsb1 family				
AgLsb1	YAF	DLDF	WPY	18 / 4
ScLsb2	YQF	DLGL	WPY	18 / 4
ScLsb1	YDF	DLSL	WPY	18 / 4
CaLsb1	YDY	DLDL	WPY	18 / 4
SpLsb1	YDF	DLGF	WPY	18 / 4
AgLsb1	EYV E A L Y A F Q A Q Q P G D L D F K V G E K I E V L E K P S P E W Y K G R - - - - C N G K V G M F P S N Y V K P A F			
ScLsb2	EYV E A L Y Q F D P Q Q D G D L G L K P G D K V Q L L E K L S P E W Y K G S - - - - C N G R T G I F P A N Y V K P A F			
ScLsb1	EYV E A L Y D F E A Q Q D G D L S L K T G D K I Q V L E K I S P D W Y R G K - - - - S N N K I G I F P A N Y V K P A F			
CaLsb1	G Y C I A T Y D Y K A Q Q A G D L D L S K G D K L A V V E H L S E D W W K G Y K S D S S P E K T G V F P S N Y V K I I S			
SpLsb1	E R V L A M Y D F P G P D A G D L G F H A G E V I I V L E H V N N D W W R G E - - - - L N G K E G I F P S N Y V R L L E			
Lsb4 family				
AgLsb4	YTF	DLPF	WPY	18 / 7
ScLsb3	YSF	DLPF	WPY	18 / 7
CaLsb4	YTF	DLPF	WPY	18 / 7
ScLsb4	YNF	DIAF	WPY	18 / 7
SpLsb4	YSF	DLSF	WPY	18 / 7
AgLsb4	P K A V A L Y T F K G E Q K G D L P F R K G D V I M I L K R T E S Q D D W W T G R I N G Q E G I F P A N Y V D L V			
ScLsb3	P K A V A L Y S F A G E E S G D L P F R K G D V I T I L K K S D S Q N D W W T G R V N G R E G I F P A N Y V E L V			
CaLsb4	T Q A I A L Y T F K G E Q S G D L P F K K G D V I D I L K K T D T I D D W W T G R N N G L T G I F P A N Y V E L I			
ScLsb4	P T A V A L Y N F A G E Q P G D L A F K K G D V I T I L K K S D S Q N D W W T G R T N G K E G I F P A N Y V R V S			
SpLsb4	N Q A R A M Y S F A G E Q P G D L S F K K G D I I D I V E R S G S H D D W W T G R I G Y R E G I F P A N Y V K L S			
Myo5 family				
AgMyo5	YDF	ELPL	WPY	19 / 3
CaMyo5	YDF	EMTI	WPY	18 / 2
ScMyo5	YDF	ELPL	WPY	19 / 3
ScMyo3	FDY	SPL	WPY	19 / 3
SpMyo1	FDF	ELPL	WPY	18 / 3
AgMyo5	P V Y E A A F D F P G S G S P N E F P L K K G D R I Y - V T R Q E P S G - W S L A K A L D G S K E G W V P T A Y I V E S K			
ScMyo5	P M F E A A Y D F P G S G S P S E L P L K K G D V I Y - I T R E E P S G - W S L G K L L D G S K E G W V P T A Y M K P H S			
ScMyo3	P K F E A A Y D F P G S G S S S E L P L K K G D I V F - I S R D E P S G - W S L A K L L D G S K E G W V P T A Y M T P Y K			
SpMyo1	D L Y L A L Y D F A G R - S P N E M T I K K - D E I I E I V Q K E P S G - W W L A L K N - - G A E G W V P A T Y V T E Y K			
CaMyo5	P T Y K A M F D Y D G S - V A G S I P L V K - D T I Y Y V T - - Q V N G K W G L V K T M D E T K E G W S P I D Y L K E C S			
Text				
Nbp2 family				
AgNbp2	YDF	ELEL	WPY	18 / 5
ScNbp2	YDF	ELRL	WPF	18 / 5
CaNbp2	FDF	EISL	WPY	18 / 5
SpNbp2	YDF	ELGF	WPF	18 / 5
AgNbp2	K H A W A L Y D F V P E N D N E L E L Q E G S I V Y I - S Y K H G Q G W L V A E D S A R T R T G L V P E E Y V S I L E			
ScNbp2	Q R A V A L Y D F E P E N D N E L R L A E G D I V F I - S Y K H G Q G W L V A E N E S G S K T G L V P E E F V S Y I Q			
CaNbp2	C K A R A I F D F S A E N D N E I S L I E G Q I I W I - S Y R H G Q G W L V A E D P I S G E N G L V P E E Y V E I M Q			
SpNbp2	A D A V A L Y D F E P L H D N E L G F T T G Q R L C I L S E S S D - G W L I A Y D D A S G R S G L V P E T E V K L E V			
Pex13 family				
ScPex13	YDF	EVAL	WPY	19 / 10
CaPex13	YEF	EAPL	WPY	19 / 4
AgPex13	YDF	ECAL	WPY	19 / 10
SpPex13	YEF	EMSL	WPY	19 / 10
ScPex13	L E F A R A L Y D F V P E N P E M E V A L K K G D L M A I L S K K D P L G R D S D W W K V R T K N G N I G Y I P Y N Y I E I I K			
CaPex13	I Q F A R A L Y E F N P Q N P Q V E A P L E P K E I V A I L D S R D - - - - - N W L R I R K R S G T M G W V P S N Y V E V I D			
AgPex13	L E F A R A I Y D F T P E N P R I E C A L K K G D L M A I I S R Q D P T G K E S Q W W K V R T K K G D V G Y V P C N Y I E L I R			
SpPex13	L E F C K A D Y E F M S R D P G V E M S L K K G D I I A I L S K T D T Q G N P C E W W Q G R K R S G E T G W F P S N Y C S I I S			

Domain	hydrophobic motif	polar motif	WPY triad	RT / n-Src loop lengths
Rvs167 family				
AgRvs167	YDF	DLSF	WPY	18 / 5
CaRvs167	YDY	DLTF	WPY	18 / 5
ScRvs167	YDY	DLSF	WPY	18 / 6
SpRvs167	YDY	DLSF	WPY	18 / 6
CaRvs167-2	HDF	DLRF	WPY	18 / 3
CaRvs167-3	YDF	DLSF	WPY	18 / 14
AgRvs167-2	YDY	YLSI	WPY	20 / 4
SpScp2	YSF	ELKL	WPY	18 / 4
SpScp1	YSF	ELDL	WPY	18 / 4
<pre> AgRvs167 ETC I A L Y D F A A Q A -- D G D L S F P V N A I I E I L D R S D A ----- A G W W T G R Y ----- N G R E G L F P A N Y V A L K H CaRvs167 P T C T A L Y D Y T A Q A -- Q G D L T F P A G A V I E I I Q R T E D ----- A N G W W T G K Y ----- N G Q T G V F P G N Y V -- Q ScRvs167 E T V T A L Y D Y Q A Q A -- A G D L S F P A G A V I E I V Q R T P D ----- V N E W W T G R Y ----- N G Q Q G V F P G N Y V Q L N K SpRvs167 E H V V A L Y D Y A A Q A -- A G D L S F H A G D R I E V V S R T D N ----- Q N E W W I G R L ----- N G A Q G Q F P G N Y V Q L - E CaRvs167-2 S Y C Y A L H D F A G Q E -- E L D L R F S K G D K I K I L V G N ----- G T W W E R Q L ----- N G K I G Q F P S N Y V Q L - I CaRvs167-3 V L K T A K Y D F S G Y E -- P G D L S F K Q G D N I E I L L D F Q N I D T L Y H S D E L N W L I G V S R I --- D D E S Y R I G F P N N Y V E --- AgRvs167-2 V Y A T A L Y D Y D P Q F N D P Q Y L S I K K G D I I Q V I T Q S K ----- N G W W Y G D L L ----- R T K T K G L F P Q S Y V V Q V Q D SpScp2 K V V R M K Y S H E P E T -- E N E L K L K K G D L L L V L K E I D ----- E G W W V G E K L G E D G V F T G N T G M F P S N Y C V P A H SpScp1 V F V K A I Y S H E T G R N -- E K E L D L H T G D V I Q V S E Q L G ----- P D W Y M G E K V N S K A E K L G N S G M F P V N Y C T R I Y </pre>				
Sla1 family				
AgSla1-D1	YAY	ELAL	WPY	18 / 6
AgSla1-D2	YDY	ELVF	WPY	20 / 5
AgSla1-D3	YNF	ELTV	WPY	18 / 6
CaSla1-D1	YDY	ELNI	WPY	18 / 6
CaSla1-D2	YDY	ELSF	WPY	18 / 5
CaSla1-D3	YDF	ELDC	WPF	18 / 6
ScSla1-D1	YAY	ELAI	WPY	18 / 6
ScSla1-D2	YDY	ELTF	WPY	20 / 5
ScSla1-D3	YDF	ELTI	WPF	18 / 6
SpSla1-D1	YSY	EISI	WPY	28 / 5
SpSla1-D2	YDY	EISF	WPY	18 / 5
SpSla1-D3	YDF	ELTV	WPF	18 / 6
<pre> AgSla1-D1 G V Y K A V Y A Y E P -- Q ----- N E E E L A I E E D E L L Y L L Q K S E V D D W T V K K R V L --- G G D M D E P V G L V P N N Y I E E A P AgSla1-D2 G R V R S V Y D Y E E A Q N ----- P D E L V F R E G D E F D V Y D D R - D A D W V L V R K R A ----- D G S V G F A P G N Y V E K V G AgSla1-D3 K R G I I K Y N F F G -- E ----- S S D E L T V K E G D V V Y I L N D K K S A D W M M C E I I G ----- T S R Q G V I P A Q F I D V Q P CaSla1-D1 G V Y K A L Y D Y A A -- Q ----- A E E E L N I K Q N D L L Y L L E K S D I D D W W K V K K R V V A T G E E I V D E P S G L V P S T Y I E E A P CaSla1-D2 K T A T A L Y D Y D K -- Q ----- T E E E L S F N E N D K F N V F D L N - D P D W I L V G D L A ----- K E K F G F V P S N Y I Q L D S CaSla1-D3 K I G R L L Y D F E V -- Q ----- G D D E L D C K E G D E V Y I I D Q K K S K D W M V E N I A ----- T R R Q G V V P S T Y I E I I S ScSla1-D1 G - Y R A V Y A Y E P -- Q ----- T P E E L A I Q E D D L L Y L L Q K S D I D D W W T V K K R V I --- G S D S E E P V G L V P S T Y I E E A P ScSla1-D2 K K V R A I Y D Y E V Q N ----- A D E L T F H E N D V F D V F D D K - D A D W L L V K S T V ----- S N E F G F I P G N Y V E P E N ScSla1-D3 K R G I V Q Y D F M A -- E ----- S Q D E L T I K S G D K V Y I L D D K K S K D W M M C Q L V D ----- S G K S G L V P A Q F I E P V R SpSla1-D1 G I Y K V L Y S Y E P -- Q E I N P G E E I P E N E R E I S I V E D E I V C L L E K G - E D D W Y L V K R N V N --- S N D D D E E I G I V P S N Y I T E A E SpSla1-D2 T K M K A L Y D Y T Q -- Q ----- S V D E I S F A D Q T L D C Y G D T - D S D W I L V G F ----- N N N F G L A P R N Y V E G M D SpSla1-D3 K M G T V L Y D F I A -- E ----- A A D E L T V K A N M R V V I V N D T A S S D W W K C S V ----- D G K E G V V P S N E I K P D T </pre>				
Sho1 family				
AgSho1	YAY	EISF	WPY	20 / 5
ScSho1	YPY	EISF	WPY	20 / 5
CaSho1	YSY	EISF	WPY	20 / 5
<pre> AgSho1 Y T A K A L Y A Y E A D A S D A Y E I S F Q Q G E I L R V G D I E G R W W K A K K A N G E T G I I P S N Y V E L V D ScSho1 Y K A K A L Y P Y D A D D D D A Y E I S F E Q N E I L Q V S D I E G R W W K A R R A N G E T G I I P S N Y V Q L I D CaSho1 Y K A K A L Y S Y D A N P D D I N E I S F V K D E I L E V D D I D G K W W Q A R R A N G Q V G I C P S N Y V K L L D </pre>				