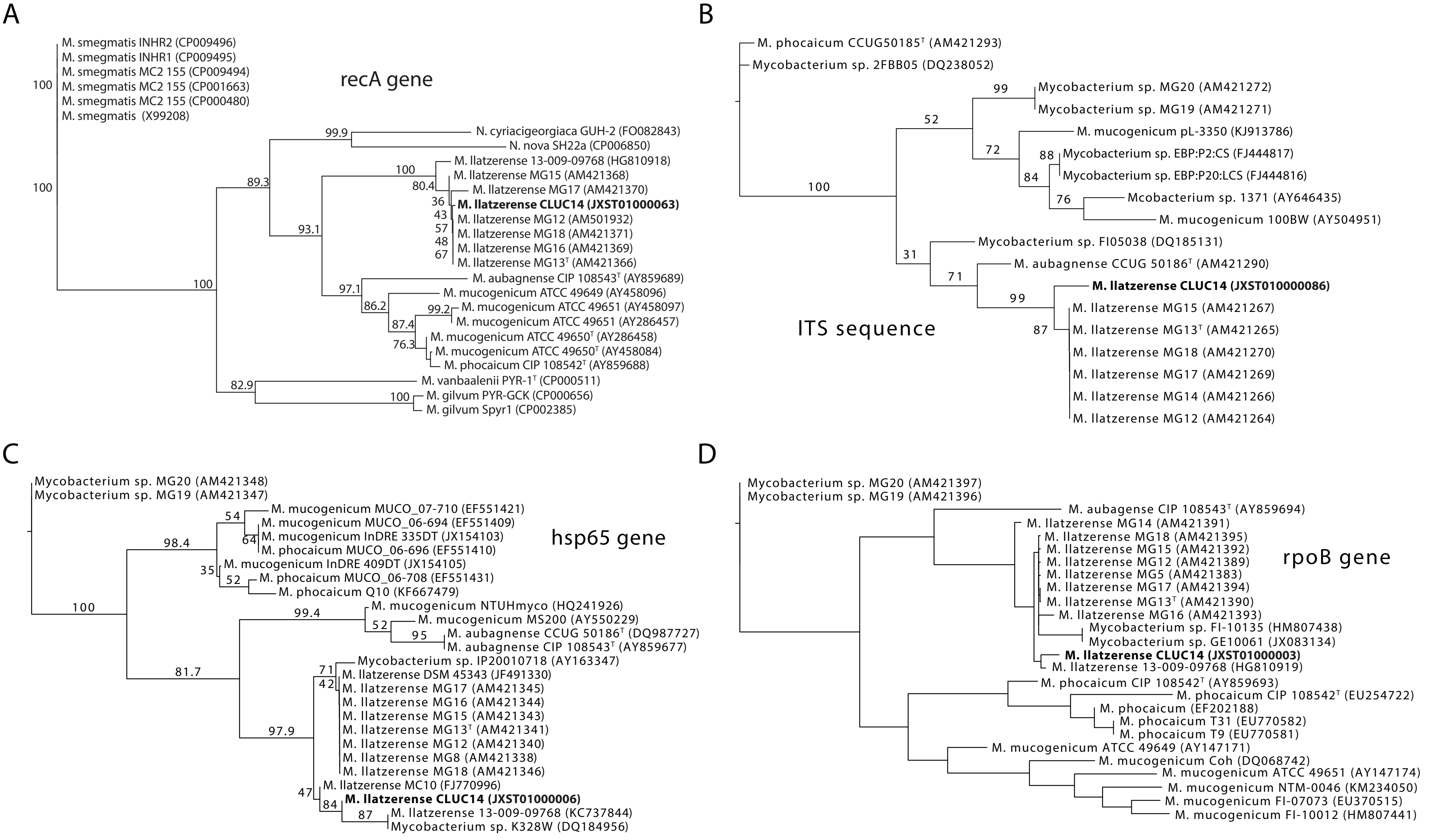
Figure S1:

Phylogenetic trees of *Mycobacterium* species for highly conserved regions using sequences trimmed to those available for *M. llatzerense* type strain MG13^T demonstrate clustering of strain CLUC14 from this study with other *M. llatzerense* strains. The aligned regions include 730 bp of the *recA* gene (A), 251 bp of the 16S – 23S *rRNA* gene internal transcribed spacer (ITS) sequence (B), 382 bp of the *hsp65* gene (C) and 665 bp of the *rpoB* gene (D). The top 25 aligning sequences by BLASTn against GenBank NT database were used for the phylogenetic tree, except for the ITS where 17 sequences having E-values < 1e-15 were used.

A
recA gene
M. smegmatis INHR2 (CP009496)
M. smegmatis INHR1 (CP009495)
M. smegmatis MC2 155 (CP009494)
M. smegmatis MC2 155 (CP001663)
M. smegmatis MC2 155 (CP000480)
M. smegmatis (X99208)
100
100
100
99.9
N. cyriacigeorgiaca GUH-2 (FO082843)
N. nova SH22a (CP006850)
89.3
100
M. llatzerense 13-009-09768 (HG810918)
80.4
M. llatzerense MG15 (AM421368)
M. llatzerense MG17 (AM421370)
36
M. llatzerense CLUC14 (JXST01000063)
43
M. llatzerense MG12 (AM501932)
57
M. llatzerense MG18 (AM421371)
48
M. llatzerense MG16 (AM421369)
67
M. llatzerense MG13T (AM421366)
93.1
97.1
M. aubagnense CIP 108543T (AY859689)
86.2
M. mucogenicum ATCC 49649 (AY458096)
99.2
M. mucogenicum ATCC 49651 (AY458097)
87.4
M. mucogenicum ATCC 49651 (AY286457)
76.3
M. mucogenicum ATCC 49650T (AY286458)
M. mucogenicum ATCC 49650T (AY458084)
M. phocaicum CIP 108542T (AY859688)
82.9
M. vanbaalenii PYR-1T (CP000511)
100
M. gilvum PYR-GCK (CP000656)
M. gilvum Spyr1 (CP002385)
B
M. phocaicum CCUG50185T (AM421293)
Mycobacterium sp. 2FBB05 (DQ238052)
99
Mycobacterium sp. MG20 (AM421272)
Mycobacterium sp. MG19 (AM421271)
52
M. mucogenicum pL-3350 (KJ913786)
72
88
Mycobacterium sp. EBP:P2:CS (FJ444817)
84
Mycobacterium sp. EBP:P20:LCS (FJ444816)
100
76
Mcobacterium sp. 1371 (AY646435)
M. mucogenicum 100BW (AY504951)
Mycobacterium sp. FI05038 (DQ185131)
31
M. aubagnense CCUG 50186T (AM421290)
71
M. llatzerense CLUC14 (JXST010000086)
99
M. llatzerense MG15 (AM421267)
ITS sequence
87
M. llatzerense MG13T (AM421265)
M. llatzerense MG18 (AM421270)
M. llatzerense MG17 (AM421269)
M. llatzerense MG14 (AM421266)
M. llatzerense MG12 (AM421264)
C
Mycobacterium sp. MG20 (AM421348)
Mycobacterium sp. MG19 (AM421347)
54
M. mucogenicum MUCO_07-710 (EF551421)
M. mucogenicum MUCO_06-694 (EF551409)
98.4
64
M. mucogenicum InDRE 335DT (JX154103)
hsp65 gene
M. phocaicum MUCO_06-696 (EF551410)
35
M. mucogenicum InDRE 409DT (JX154105)
52
M. phocaicum MUCO_06-708 (EF551431)
100
M. phocaicum Q10 (KF667479)
99.4
M. mucogenicum NTUHmyco (HQ241926)
M. mucogenicum MS200 (AY550229)
52
95
M. aubagnense CCUG 50186T (DQ987727)
M. aubagnense CIP 108543T (AY859677)
81.7
71
Mycobacterium sp. IP20010718 (AY163347)
42
M. llatzerense DSM 45343 (JF491330)
M. llatzerense MG17 (AM421345)
M. llatzerense MG16 (AM421344)
M. llatzerense MG15 (AM421343)
97.9
M. llatzerense MG13T (AM421341)
M. llatzerense MG12 (AM421340)
M. llatzerense MG8 (AM421338)
M. llatzerense MG18 (AM421346)
M. llatzerense MC10 (FJ770996)
47
M. llatzerense CLUC14 (JXST01000006)
84
87
M. llatzerense 13-009-09768 (KC737844)
Mycobacterium sp. K328W (DQ184956)
D
Mycobacterium sp. MG20 (AM421397)
Mycobacterium sp. MG19 (AM421396)
M. aubagense CIP 108543T (AY859694)
M. llatzerense MG14 (AM421391)
M. llatzerense MG18 (AM421395)
M. llatzerense MG15 (AM421392)
rpoB gene
M. llatzerense MG12 (AM421389)
M. llatzerense MG5 (AM421383)
M. llatzerense MG17 (AM421394)
M. llatzerense MG13T (AM421390)
M. llatzerense MG16 (AM421393)
Mycobacterium sp. FI-10135 (HM807438)
Mycobacterium sp. GE10061 (JX083134)
M. llatzerense CLUC14 (JXST01000003)
M. llatzerense 13-009-09768 (HG810919)
M. phocaicum CIP 108542T (AY859693)
M. phocaicum CIP 108542T (EU254722)
M. phocaicum (EF202188)
M. phocaicum T31 (EU770582)
M. phocaicum T9 (EU770581)
M. mucogenicum ATCC 49649 (AY147171)
M. mucogenicum Coh (DQ068742)
M. mucogenicum ATCC 49651 (AY147174)
M. mucogenicum NTM-0046 (KM234050)
M. mucogenicum FI-07073 (EU370515)
M. mucogenicum FI-10012 (HM807441)