

Table S2 Fold change of copy number of mitochondrial and nuclear genes in wild-type inbred B and mitochondrial mutants MSC3, 12 and 16.

Gene	Line	Average Fold-change	S.E.	t-test
<i>gadph</i> ⁿ	Line B	0.89	0.06	CONTROL
<i>gadph</i> ⁿ	MSC3	0.86	0.10	0.4059
<i>gadph</i> ⁿ	MSC12	0.79	0.05	0.1267
<i>gadph</i> ⁿ	MSC16	0.83	0.05	0.2371
<i>actin3</i> ⁿ	Line B	1.00	0.06	CONTROL
<i>actin3</i> ⁿ	MSC3	1.21	0.08	0.0574
<i>actin3</i> ⁿ	MSC12	1.05	0.04	0.2899
<i>actin3</i> ⁿ	MSC16	1.08	0.08	0.2600
<i>nad9</i>	Line B	1.00	0.02	CONTROL
<i>nad9</i>	MSC3	1.38	0.22	0.0782
<i>nad9</i>	MSC12	2.60	0.25	0.0016*
<i>nad9</i>	MSC16	1.88	0.16	0.0031*
<i>cob</i>	Line B	1.00	0.02	CONTROL
<i>cob</i>	MSC3	1.29	0.05	0.0034*
<i>cob</i>	MSC12	1.47	0.20	0.0400*
<i>cob</i>	MSC16	1.32	0.08	0.0096*
<i>rps7</i>	Line B	1.02	0.15	CONTROL
<i>rps7</i>	MSC3	0.92	0.16	0.3371
<i>rps7</i>	MSC12	0.12	0.04	0.0021*
<i>rps7</i>	MSC16	0.12	0.05	0.0023*
<i>ccmFc</i>	Line B	1.00	0.04	CONTROL
<i>ccmFc</i>	MSC3	1.31	0.16	0.0715
<i>ccmFc</i>	MSC12	2.09	0.32	0.0143*

<i>ccmFc</i>	MSC16	2.38	0.75	0.0716
<i>nad7</i>	Line B	1.00	0.07	CONTROL
<i>nad7</i>	MSC3	1.04	0.12	0.4124
<i>nad7</i>	MSC12	1.23	0.18	0.1535
<i>nad7</i>	MSC16	1.08	0.12	0.2998
<i>ccmB</i>	Line B	1.05	0.23	CONTROL
<i>ccmB</i>	MSC3	1.30	0.21	0.2366
<i>ccmB</i>	MSC12	1.68	0.17	0.0482*
<i>ccmB</i>	MSC16	1.59	0.28	0.1039
<i>atp1</i>	Line B	1.03	0.16	CONTROL
<i>atp1</i>	MSC3	1.16	0.14	0.2794
<i>atp1</i>	MSC12	2.22	0.26	0.0089*
<i>atp1</i>	MSC16	2.42	0.24	0.0042*
<i>cox1</i>	Line B	1.01	0.10	CONTROL
<i>cox1</i>	MSC3	1.20	0.25	0.2568
<i>cox1</i>	MSC12	1.71	0.17	0.0116*
<i>cox1</i>	MSC16	2.04	0.28	0.0127*
<i>nad6</i>	Line B	1.01	0.10	CONTROL
<i>nad6</i>	MSC3	1.27	0.14	0.0985
<i>nad6</i>	MSC12	2.15	0.17	0.0023*
<i>nad6</i>	MSC16	2.38	0.25	0.0039*
<i>ubqcⁿ</i>	Line B	1.00	0.00	CONTROL
<i>ubqcⁿ</i>	MSC3	1.11	0.12	0.2041
<i>ubqcⁿ</i>	MSC12	1.05	0.09	0.2886
<i>ubqcⁿ</i>	MSC16	1.03	0.10	0.3820
<i>sdh3</i>	Line B	1.04	0.25	CONTROL

<i>sdh3</i>	MSC3	1.23	0.07	0.2100
<i>sdh3</i>	MSC12	2.09	0.09	0.0048*
<i>sdh3</i>	MSC16	2.16	0.36	0.0265*
<i>nad3</i>	Line B	1.02	0.16	CONTROL
<i>nad3</i>	MSC3	1.43	0.16	0.0741
<i>nad3</i>	MSC12	2.00	0.08	0.0029*
<i>nad3</i>	MSC16	1.88	0.33	0.0402*
<i>rrn5</i>	Line B	1.01	0.12	CONTROL
<i>rrn5</i>	MSC3	1.05	0.10	0.4057
<i>rrn5</i>	MSC12	1.17	0.00	0.1311
<i>rrn5</i>	MSC16	1.26	0.05	0.0683
<i>rpl2</i>	Line B	1.00	0.04	CONTROL
<i>rpl2</i>	MSC3	1.00	0.08	0.4799
<i>rpl2</i>	MSC12	1.86	0.07	0.0003*
<i>rpl2</i>	MSC16	2.10	0.12	0.0006*
<i>rps3</i>	Line B	1.01	0.12	CONTROL
<i>rps3</i>	MSC3	1.40	0.16	0.0660
<i>rps3</i>	MSC12	2.31	0.20	0.0025*
<i>rps3</i>	MSC16	2.53	0.20	0.0015*
<i>rpl5</i>	Line B	1.00	0.07	CONTROL
<i>rpl5</i>	MSC3	1.38	0.19	0.0710
<i>rpl5</i>	MSC12	2.05	0.32	0.0171*
<i>rpl5</i>	MSC16	2.86	0.34	0.0030*
<i>nad5</i>	Line B	1.03	0.19	CONTROL
<i>nad5</i>	MSC3	0.36	0.11	0.0194*
<i>nad5</i>	MSC12	1.85	0.39	0.0661

<i>nad5</i>	MSC16	1.47	0.20	0.0931
<i>atp4</i>	Line B	1.03	0.19	CONTROL
<i>atp4</i>	MSC3	0.43	0.04	0.0182*
<i>atp4</i>	MSC12	1.69	0.31	0.0724
<i>atp4</i>	MSC16	1.88	0.19	0.0170*
<i>rrn5</i>	Line B	1.01	0.12	CONTROL
<i>rrn5</i>	MSC3	1.06	0.11	0.4046
<i>rrn5</i>	MSC12	1.29	0.06	0.0556
<i>rrn5</i>	MSC16	1.39	0.11	0.0432*
<i>aox^{nm}</i>	Line B	1.00	0.07	CONTROL
<i>aox^{nm}</i>	MSC3	1.21	0.22	0.2082
<i>aox^{nm}</i>	MSC12	1.00	0.07	0.4992
<i>aox^{nm}</i>	MSC16	1.24	0.10	0.0640
<i>porin^{nm}</i>	Line B	1.16	0.47	CONTROL
<i>porin^{nm}</i>	MSC3	34.74	33.31	0.1853
<i>porin^{nm}</i>	MSC12	0.80	0.20	0.2589
<i>porin^{nm}</i>	MSC16	2.34	1.03	0.1788
<i>cox2</i>	Line B	1.00	0.07	CONTROL
<i>cox2</i>	MSC3	1.12	0.30	0.3596
<i>cox2</i>	MSC12	1.79	0.14	0.0040*
<i>cox2</i>	MSC16	1.95	0.04	0.0002*
<i>rps13</i>	Line B	1.04	0.21	CONTROL
<i>rps13</i>	MSC3	1.33	0.23	0.1968
<i>rps13</i>	MSC12	2.19	0.00	0.0025*
<i>rps13</i>	MSC16	2.05	0.30	0.0253*
<i>mttb</i>	Line B	1.06	0.26	CONTROL

<i>mttb</i>	MSC3	1.42	0.11	0.1383
<i>mttb</i>	MSC12	2.46	0.06	0.0033*
<i>mttb</i>	MSC16	2.26	0.23	0.0130*
<i>rps10</i>	Line B	1.00	0.08	CONTROL
<i>rps10</i>	MSC3	1.12	0.05	0.1431
<i>rps10</i>	MSC12	2.02	0.24	0.0080*
<i>rps10</i>	MSC16	2.25	0.13	0.0007*
<i>atp8</i>	Line B	1.00	0.04	CONTROL
<i>atp8</i>	MSC3	1.15	0.09	0.0998
<i>atp8</i>	MSC12	1.55	0.04	0.0003*
<i>atp8</i>	MSC16	1.82	0.04	0.0001*
<i>rrnL</i>	Line B	1.00	0.04	CONTROL
<i>rrnL</i>	MSC3	1.25	0.15	0.0952
<i>rrnL</i>	MSC12	3.03	0.68	0.0207*
<i>rrnL</i>	MSC16	2.25	0.53	0.0400*

* Significant difference between an MSC mutant for a given mitochondrial or nuclear gene compared to wild-type B at $\alpha = 0.05$, Student's t-test.

ⁿ Nuclear-encoded gene with no function in the mitochondria.

^{nm} Nuclear-encoded mitochondrially targeted gene.