

Table S3 Fold change in transcript levels of mitochondrial and nuclear genes from wild-type inbred B and mitochondrial mutants MSC3, 12 and 16.

Gene	Line	Average Fold-change	S.E.	t-test
<i>rps7</i>	Line B	1.12	0.18	CONTROL
<i>rps7</i>	MSC3	2.32	0.34	0.0044*
<i>rps7</i>	MSC12	0.21	0.07	0.0005*
<i>rps7</i>	MSC16	0.36	0.08	0.0016*
<i>rrn5</i>	Line B	1.05	0.12	CONTROL
<i>rrn5</i>	MSC3	1.67	0.49	0.1246
<i>rrn5</i>	MSC12	1.15	0.19	0.3181
<i>rrn5</i>	MSC16	1.16	0.16	0.2837
<i>rpl2</i>	Line B	1.09	0.37	CONTROL
<i>rpl2</i>	MSC3	1.76	0.47	0.0148*
<i>rpl2</i>	MSC12	2.00	0.29	0.0087*
<i>rpl2</i>	MSC16	2.00	0.31	0.0118*
<i>nad3</i>	Line B	1.31	0.32	CONTROL
<i>nad3</i>	MSC3	2.06	0.46	0.1028
<i>nad3</i>	MSC12	2.92	0.46	0.0041*
<i>nad3</i>	MSC16	4.75	1.14	0.0087*
<i>sdh3</i>	Line B	1.08	0.16	CONTROL
<i>sdh3</i>	MSC3	2.08	0.48	0.0395*
<i>sdh3</i>	MSC12	2.05	0.43	0.0256*
<i>sdh3</i>	MSC16	1.85	0.42	0.0583
<i>nad6</i>	Line B	1.23	0.28	CONTROL
<i>nad6</i>	MSC3	1.55	0.31	0.2295
<i>nad6</i>	MSC12	2.54	0.64	0.0379*

<i>nad6</i>	MSC16	2.57	0.66	0.0435*
<i>ubqcⁿ</i>	Line B	1.09	0.35	CONTROL
<i>ubqcⁿ</i>	MSC3	1.51	0.80	0.1613
<i>ubqcⁿ</i>	MSC12	1.11	0.21	0.4583
<i>ubqcⁿ</i>	MSC16	1.36	0.25	0.1873
<i>nad9</i>	Line B	1.43	0.48	CONTROL
<i>nad9</i>	MSC3	2.13	0.40	0.1391
<i>nad9</i>	MSC12	4.40	1.11	0.0122*
<i>nad9</i>	MSC16	5.21	1.71	0.0309*
<i>cob</i>	Line B	1.19	0.25	CONTROL
<i>cob</i>	MSC3	1.92	0.26	0.0301*
<i>cob</i>	MSC12	2.13	0.34	0.0156*
<i>cob</i>	MSC16	3.13	0.71	0.0142*
<i>actin3ⁿ</i>	Line B	3.46	2.54	CONTROL
<i>actin3ⁿ</i>	MSC3	3.15	0.86	0.4545
<i>actin3ⁿ</i>	MSC12	2.88	1.41	0.4222
<i>actin3ⁿ</i>	MSC16	3.99	0.87	0.4244
<i>rps10</i>	Line B	1.19	0.50	CONTROL
<i>rps10</i>	MSC3	1.90	1.32	0.1541
<i>rps10</i>	MSC12	1.89	0.41	0.0790
<i>rps10</i>	MSC16	2.64	0.53	0.0143*
<i>rps3</i>	Line B	1.09	0.17	CONTROL
<i>rps3</i>	MSC3	1.21	0.20	0.3276
<i>rps3</i>	MSC12	2.04	0.34	0.0097*
<i>rps3</i>	MSC16	1.93	0.37	0.0328*
<i>mttb</i>	Line B	1.07	0.16	CONTROL

<i>mttb</i>	MSC3	1.57	0.34	0.1084
<i>mttb</i>	MSC12	2.01	0.32	0.0067*
<i>mttb</i>	MSC16	1.82	0.24	0.0113*
<i>atp4</i>	Line B	1.03	0.09	CONTROL
<i>atp4</i>	MSC3	0.47	0.07	0.0001*
<i>atp4</i>	MSC12	1.12	0.19	0.3112
<i>atp4</i>	MSC16	1.01	0.14	0.4523
<i>cox2</i>	Line B	1.03	0.18	CONTROL
<i>cox2</i>	MSC3	1.12	0.24	0.2669
<i>cox2</i>	MSC12	1.25	0.15	0.1114
<i>cox2</i>	MSC16	1.32	0.18	0.0917
<i>aox^{nm}</i>	Line B	1.03	0.10	CONTROL
<i>aox^{nm}</i>	MSC3	1.94	0.22	0.0017*
<i>aox^{nm}</i>	MSC12	2.33	0.27	0.0003*
<i>aox^{nm}</i>	MSC16	2.66	0.35	0.0007*
<i>rrnS</i>	Line B	1.06	0.13	CONTROL
<i>rrnS</i>	MSC3	1.35	0.18	0.1090
<i>rrnS</i>	MSC12	0.73	0.12	0.0383*
<i>rrnS</i>	MSC16	0.82	0.11	0.0905
<i>rps13</i>	Line B	1.10	0.17	CONTROL
<i>rps13</i>	MSC3	1.35	0.11	0.1150
<i>rps13</i>	MSC12	2.85	0.39	0.0003*
<i>rps13</i>	MSC16	2.82	0.71	0.0213*
<i>rpl5</i>	Line B	1.09	0.39	CONTROL
<i>rpl5</i>	MSC3	1.81	0.45	0.0112*
<i>rpl5</i>	MSC12	2.27	0.57	0.0396*

<i>rpl5</i>	MSC16	2.05	0.23	0.0026*
<i>atp8</i>	Line B	1.02	0.08	CONTROL
<i>atp8</i>	MSC3	1.09	0.23	0.3999
<i>atp8</i>	MSC12	1.33	0.23	0.0916
<i>atp8</i>	MSC16	1.45	0.22	0.0504
<i>nad5</i>	Line B	1.13	0.22	CONTROL
<i>nad5</i>	MSC3	0.14	0.02	0.0011*
<i>nad5</i>	MSC12	1.28	0.34	0.3535
<i>nad5</i>	MSC16	1.16	0.27	0.4686
<i>rrnL</i>	Line B	1.06	0.12	CONTROL
<i>rrnL</i>	MSC3	1.15	0.21	0.3519
<i>rrnL</i>	MSC12	1.19	0.30	0.3461
<i>rrnL</i>	MSC16	1.51	0.28	0.0843
<i>cox1</i>	Line B	1.13	0.41	CONTROL
<i>cox1</i>	MSC3	1.58	0.68	0.1262
<i>cox1</i>	MSC12	1.85	0.58	0.1347
<i>cox1</i>	MSC16	3.07	1.03	0.0500*
<i>atp1</i>	Line B	1.11	0.19	CONTROL
<i>atp1</i>	MSC3	2.05	0.24	0.0039*
<i>atp1</i>	MSC12	1.77	0.57	0.1510
<i>atp1</i>	MSC16	1.91	0.50	0.0849
<i>nad1</i>	Line B	1.03	0.08	CONTROL
<i>nad1</i>	MSC3	0.95	0.14	0.3251
<i>nad1</i>	MSC12	1.08	0.32	0.4367
<i>nad1</i>	MSC16	1.18	0.31	0.3286
<i>nad7</i>	Line B	1.05	0.11	CONTROL

<i>nad7</i>	MSC3	1.16	0.16	0.2910
<i>nad7</i>	MSC12	1.06	0.25	0.4889
<i>nad7</i>	MSC16	1.19	0.25	0.3109
<i>ccmB</i>	Line B	1.10	0.31	CONTROL
<i>ccmB</i>	MSC3	2.15	1.41	0.0784
<i>ccmB</i>	MSC12	1.55	0.19	0.0400*
<i>ccmB</i>	MSC16	2.30	0.40	0.0090*
<i>porin</i> ⁿ	Line B	1.08	0.15	CONTROL
<i>porin</i> ⁿ	MSC3	1.01	0.19	0.3941
<i>porin</i> ⁿ	MSC12	0.80	0.23	0.1624
<i>porin</i> ⁿ	MSC16	0.87	0.16	0.1690
<i>ccmFc</i>	Line B	1.08	0.15	CONTROL
<i>ccmFc</i>	MSC3	1.34	0.22	0.1781
<i>ccmFc</i>	MSC12	2.81	0.71	0.0176*
<i>ccmFc</i>	MSC16	2.34	0.47	0.0145*
<i>gadph</i> ⁿ	Line B	1.03	0.08	CONTROL
<i>gadph</i> ⁿ	MSC3	1.32	0.17	0.0829
<i>gadph</i> ⁿ	MSC12	1.17	0.17	0.2137
<i>gadph</i> ⁿ	MSC16	1.14	0.26	0.3495

* Significant difference between an MSC mutant for a given mitochondrial or nuclear gene compared to wild-type

B at $\alpha = 0.05$, Student's t-test.

ⁿ Nuclear-encoded gene with no function in the mitochondria.

^{nm} Nuclear-encoded mitochondrially targeted gene.