

Phylum	Order	Ciso-Metalimnion	Ciso-Hypolimnion	CIII-Metalimnion	CIII-Hypolimnion	average
Chlorobi	Chlorobiales	0,65	5,36	22,46	50,44	19,73
Epsilonproteobacteria	Campylobacterales	10,97	12,46	12,61	20,84	14,22
Betaproteobacteria	Burkholderiales	35,27	9,52	3,91	0,51	12,30
OD1	OD1	4,30	13,15	5,80	8,64	7,97
Actinobacteria	Frankiales	7,96	0,35	11,74	0,64	5,17
Bacteroidetes	Sphingobacteriales	4,52	7,09	4,49	0,25	4,09
Actinobacteria	Micrococcales	13,12	1,38	0,14	0,00	3,66
Unclassified	Unclassified	1,29	2,60	3,48	4,96	3,08
Actinobacteria	Acidimicrobiales	2,58	0,00	5,36	0,00	1,99
Bacteroidetes	Flavobacteriales	4,95	0,52	2,17	0,00	1,91
Deltaproteobacteria	Syntrophobacteriales	0,22	7,27	0,00	0,13	1,90
Alphaproteobacteria	SAR11	0,00	0,00	6,67	0,13	1,70
Betaproteobacteria	Gallionellales	0,00	0,00	2,75	2,54	1,32
Firmicutes	Clostridiales	0,86	2,94	0,58	0,25	1,16
OP3	OP3	0,65	2,42	0,87	0,51	1,11
Euryarchaeota	Halobacteriales	0,86	1,90	0,58	1,02	1,09
Betaproteobacteria	Methylophilales	2,15	0,00	1,59	0,13	0,97
Deltaproteobacteria	Desulfobacterales	0,22	3,11	0,14	0,25	0,93
Gammaproteobacteria	Chromatiales	0,22	3,46	0,00	0,00	0,92
Actinobacteria	Unresolved_Actinobacteria	1,72	0,00	1,45	0,25	0,86
OP11	OP11	0,22	2,08	0,29	0,64	0,80
Firmicutes	Erysipelotrichales	0,43	1,38	0,43	0,76	0,75
Tenericutes	Acholeplasmatales	0,65	1,90	0,00	0,13	0,67
Tenericutes	NB1-n	0,22	0,69	0,87	0,89	0,67
Betaproteobacteria	Unresolved_Betaproteobacteria	0,65	0,17	1,16	0,38	0,59
Chloroflexi	SL56 marine group	0,00	0,00	2,32	0,00	0,58
Verrucomicrobia	vadinHA64	0,00	0,00	2,32	0,00	0,58
Deltaproteobacteria	Myxococcales	0,00	0,87	0,00	1,27	0,53
Chloroflexi	Anaerolineales	0,22	1,21	0,29	0,38	0,52
BD1-5	BD1-5	0,22	1,56	0,14	0,13	0,51
Firmicutes	Selenomonadales	0,00	1,38	0,14	0,13	0,41
Bacteroidetes	Unresolved_Bacteroidetes	0,00	0,87	0,14	0,64	0,41
Bacteroidetes	Bacteroidales	0,22	1,21	0,00	0,13	0,39
Bacteroidetes	Other_Bacteroidetes	0,00	1,38	0,14	0,00	0,38
Lentisphaerae	RFP12	0,00	1,38	0,00	0,00	0,35
Spirochaetae	Spirochaetales	0,22	1,04	0,00	0,13	0,35
Cyanobacteria	Chloroplast	0,43	0,35	0,43	0,00	0,30
Cyanobacteria	Synechococcus	0,00	0,17	1,01	0,00	0,30
Actinobacteria	PeM15	1,08	0,00	0,00	0,00	0,27
Deltaproteobacteria	Bdellovibrionales	0,43	0,35	0,14	0,00	0,23
SR1	SR1	0,22	0,52	0,00	0,00	0,18
Deltaproteobacteria	Unresolved_Deltaproteobacteria	0,00	0,69	0,00	0,00	0,17
NPL-UPA2	NPL-UPA2	0,22	0,17	0,00	0,25	0,16
Betaproteobacteria	Rhodocyclales	0,22	0,00	0,29	0,13	0,16
Deltaproteobacteria	Desulfarculales	0,00	0,35	0,00	0,25	0,15
Elusimicrobia	Elusimicrobia	0,00	0,00	0,14	0,38	0,13
Actinobacteria	Gaiellales	0,00	0,52	0,00	0,00	0,13
Lentisphaerae	Unresolved_Lentisphaerae	0,00	0,52	0,00	0,00	0,13
Verrucomicrobia	Chthoniobacterales	0,00	0,52	0,00	0,00	0,13
TM7	TM7	0,00	0,52	0,00	0,00	0,13
Euryarchaeota	Methanomicrobiales	0,00	0,52	0,00	0,00	0,13
Gammaproteobacteria	Legionellales	0,22	0,17	0,00	0,13	0,13
Deltaproteobacteria	Sva0485	0,00	0,35	0,14	0,00	0,12
OP8	OP8	0,00	0,35	0,14	0,00	0,12
Chlorobi	Ignavibacteriales	0,00	0,17	0,29	0,00	0,12
Fibrobacteres	Fibrobacteria	0,00	0,17	0,14	0,13	0,11
Chloroflexi	Unresolved_Chloroflexi	0,00	0,00	0,43	0,00	0,11
Alphaproteobacteria	Rhodobacteriales	0,43	0,00	0,00	0,00	0,11
Lentisphaerae	WCHB1-41	0,00	0,17	0,00	0,25	0,11
Alphaproteobacteria	Rhizobiales	0,22	0,17	0,00	0,00	0,10
Deltaproteobacteria	Desulfuromonadales	0,00	0,00	0,00	0,38	0,10
Planctomycetes	Phycisphaerae	0,00	0,35	0,00	0,00	0,09
Betaproteobacteria	Hydrogenophilales	0,22	0,00	0,00	0,13	0,09
Lentisphaerae	Victivallales	0,00	0,17	0,14	0,00	0,08
Planctomycetes	Planctomycetales	0,00	0,17	0,14	0,00	0,08
Fusobacteria	Fusobacteriales	0,00	0,17	0,00	0,13	0,08
Alphaproteobacteria	Unresolved_Alphaproteobacteria	0,00	0,00	0,29	0,00	0,07
Gammaproteobacteria	Pseudomonadales	0,00	0,00	0,29	0,00	0,07
Gemmatimonadetes	Gemmatimonadales	0,00	0,00	0,14	0,13	0,07
Planctomycetes	vadinHA49	0,00	0,00	0,14	0,13	0,07
Actinobacteria	Propionibacteriales	0,22	0,00	0,00	0,00	0,05
Gammaproteobacteria	Thiotrichales	0,22	0,00	0,00	0,00	0,05
Bacteroidetes	Cytophagales	0,22	0,00	0,00	0,00	0,05
TM6	TM6	0,22	0,00	0,00	0,00	0,05
Acidobacteria	Unresolved_Acidobacteria	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
Actinobacteria	Corynebacteriales	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
Alphaproteobacteria	Rickettsiales	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
Deltaproteobacteria	43F-1404R	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
Deltaproteobacteria	Desulfovibrionales	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
Cyanobacteria	Gastranaerophilales	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
BRC1	BRC3	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
TA06	TA08	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
Euryarchaeota	Methanobacteriales	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
Euryarchaeota	Thermoplasmatales	0,00	0,17	0,00	0,00	0,04
Alphaproteobacteria	Caulobacterales	0,00	0,00	0,14	0,00	0,04
Gammaproteobacteria	Xanthomonadales	0,00	0,00	0,14	0,00	0,04
Verrucomicrobia	Opitutales	0,00	0,00	0,14	0,00	0,04
WS6	WS8	0,00	0,00	0,14	0,00	0,04
Alphaproteobacteria	Rhodospirillales	0,00	0,00	0,00	0,13	0,03
Alphaproteobacteria	Sphingomonadales	0,00	0,00	0,00	0,13	0,03
Lentisphaerae	MSBL3	0,00	0,00	0,00	0,13	0,03
Verrucomicrobia	OPB35	0,00	0,00	0,00	0,13	0,03