

GENE	INDEGREE					OUTDEGREE					DEGREE				
	LVL 0	LVL 1	LVL 2	LVL 3	LVL 4	LVL 0	LVL 1	LVL 2	LVL 3	LVL 4	LVL 0	LVL 1	LVL 2	LVL 3	LVL 4
1 ABCA4	4	7	7	7	7	4	6	6	6	6	8	13	13	13	13
2 ABHD12	0	0	0	0	0	3	3	3	3	3	3	3	3	3	3
3 AHI1	14	26	26	26	26	15	25	25	25	25	29	51	51	51	51
4 AIPL1	11	28	28	28	28	16	25	25	25	25	27	53	53	53	53
5 ARL2BP	4	9	9	9	9	6	12	12	12	12	10	21	21	21	21
6 ARL6	6	16	16	16	16	7	14	14	14	14	13	30	30	30	30
7 BBS1	10	15	15	15	15	4	4	4	4	4	14	19	19	19	19
8 BBS2	11	24	24	24	24	10	17	17	17	17	21	41	41	41	41
9 BEST1	2	3	3	3	3	6	9	9	9	9	8	12	12	12	12
10 C2ORF71	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
11 C8ORF37	0	0	0	0	0	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
12 CA4	5	6	6	6	6	4	6	6	6	6	9	12	12	12	12
13 CABP4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	8	8	8	8	8
14 CC2D2A	5	13	13	13	13	4	13	13	13	13	9	26	26	26	26
15 CEP290	30	84	84	84	84	36	83	83	83	83	66	167	167	167	167
16 CERKL	10	19	19	19	19	15	18	18	18	18	25	37	37	37	37
17 CLRN1	1	1	1	1	1	0	1	1	1	1	1	2	2	2	2
18 CNGA1	6	7	7	7	7	6	8	8	8	8	12	15	15	15	15
19 CNGB1	17	23	23	23	23	18	25	25	25	25	35	48	48	48	48
20 CRB1	12	32	32	32	32	27	38	38	38	38	39	70	70	70	70
21 CRX	35	95	95	95	95	42	95	95	95	95	77	190	190	190	190
22 CYP4V2	3	5	5	5	5	4	5	5	5	5	7	10	10	10	10
23 DHDDS	2	7	7	7	7	5	8	8	8	8	7	15	15	15	15
24 DHX38	31	148	148	148	148	41	154	154	154	154	72	302	302	302	302
25 DTHD1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
26 EMC1	0	0	0	0	0	7	8	8	8	8	7	8	8	8	8
27 EYS	2	3	3	3	3	3	3	3	3	3	5	6	6	6	6
28 FAM161A	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	2	2	2	2	2
29 FLVCR1	4	5	5	5	5	1	4	4	4	4	5	9	9	9	9
30 FSCN2	1	1	1	1	1	2	3	3	3	3	3	4	4	4	4
31 GDF6	6	7	7	7	7	6	7	7	7	7	12	14	14	14	14
32 GNPTG	13	23	23	23	23	14	25	25	25	25	27	48	48	48	48
33 GPR125	2	2	2	2	2	2	3	3	3	3	4	5	5	5	5
34 GUCA1B	6	8	8	8	8	8	10	10	10	10	14	18	18	18	18
35 GUCY2D	10	17	17	17	17	16	18	18	18	18	26	35	35	35	35
36 HGSNAT	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
37 HK1	18	41	41	41	41	26	51	51	51	51	44	92	92	92	92
38 IDH3B	13	33	33	33	33	17	40	40	40	40	30	73	73	73	73
39 IFT172	3	10	10	10	10	6	12	12	12	12	9	22	22	22	22
40 IMPDH1	5	7	7	7	7	9	14	14	14	14	14	21	21	21	21
41 IMPG2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
42 INPP5E	9	11	11	11	11	11	12	12	12	12	20	23	23	23	23
43 INVS	16	22	22	22	22	12	16	16	16	16	28	38	38	38	38
44 IQCB1	34	187	187	187	187	9	10	10	10	10	43	197	197	197	197
45 KCNJ13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
46 KIAA1549	6	8	8	8	8	5	7	7	7	7	11	15	15	15	15
47 KIZ	1	1	1	1	1	2	2	2	2	2	3	3	3	3	3
48 KLHL7	4	6	6	6	6	2	4	4	4	4	6	10	10	10	10
49 LCA5	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	8	8	8	8	8
50 LRAT	1	2	2	2	2	2	4	4	4	4	3	6	6	6	6
51 MAK	24	80	80	80	80	39	72	72	72	72	63	152	152	152	152
52 MERTK	23	55	55	55	55	28	56	56	56	56	51	111	111	111	111
53 MVK	9	16	16	16	16	13	19	19	19	19	22	35	35	35	35
54 NEK2	13	22	22	22	22	16	23	23	23	23	29	45	45	45	45
55 NEUROD1	24	60	60	60	60	25	66	66	66	66	49	126	126	126	126
56 NMNAT1	7	18	18	18	18	12	19	19	19	19	19	37	37	37	37
57 NPHP1	21	55	55	55	55	28	53	53	53	53	49	108	108	108	108
58 NPHP3	11	14	14	14	14	14	15	15	15	15	25	29	29	29	29
59 NPHP4	11	14	14	14	14	11	14	14	14	14	22	28	28	28	28
60 NR2E3	11	18	18	18	18	13	13	13	13	13	24	31	31	31	31
61 NRL	10	16	16	16	16	9	13	13	13	13	19	29	29	29	29
62 OFD1	30	66	66	66	66	33	70	70	70	70	63	136	136	136	136
63 OR2W3	14	272	272	272	272	22	272	272	272	272	36	544	544	544	544
64 OTX2	21	57	57	57	57	27	49	49	49	49	48	106	106	106	106
65 PANK2	9	21	21	21	21	14	17	17	17	17	23	38	38	38	38
66 PDE6A	4	6	6	6	6	5	8	8	8	8	9	14	14	14	14
67 PDE6B	5	7	7	7	7	9	14	14	14	14	14	21	21	21	21
68 PDE6G	4	4	4	4	4	2	2	2	2	2	6	6	6	6	6
69 PEX1	5	12	12	12	12	7	16	16	16	16	12	28	28	28	28
70 PEX2	3	5	5	5	5	3	3	3	3	3	6	8	8	8	8
71 PEX7	11	15	15	15	15	9	12	12	12	12	20	27	27	27	27
72 PHYH	5	15	15	15	15	10	16	16	16	16	15	31	31	31	31
73 PRCD	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
74 PROM1	8	21	21	21	21	14	22	22	22	22	22	43	43	43	43
75 PRPF3	25	111	111	111	111	29	122	122	122	122	54	233	233	233	233
76 PRPF31	39	183	183	183	183	46	191	191	191	191	85	374	374	374	374
77 PRPF4	37	196	196	196	196	38	195	195	195	195	75	391	391	391	391
78 PRPF6	38	241	241	241	241	47	254	254	254	254	85	495	495	495	495
79 PRPF8	12	42	42	42	42	32	85	85	85	85	44	127	127	127	127
80 PRPH2	1	1	1	1	1	1	2	2	2	2	2	3	3	3	3
81 PRPS1	15	35	35	35	35	24	41	41	41	41	39	76	76	76	76
82 RBP3	9	12	12	12	12	14	14	14	14	14	23	26	26	26	26
83 RD3	1	1	1	1	1	0	0	0	0	0	1	1	1	1	1
84 RDH11	4	7	7	7	7	8	11	11	11	11	12	18	18	18	18
85 RDH12	2	2	2	2	2	5	5	5	5	5	7	7	7	7	7
86 RGR	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	2	2	2	2	2
87 RHO	23	53	53	53	53	37	74	74	74	74	60	127	127	127	127
88 RLBP1	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	8	8	8	8	8
89 ROM1	0	1	1	1	1	3	4	4	4	4	3	5	5	5	5
90 RP1	11	19	19	19	19	16	19	19	19	19	27	38	38	38	38
91 RP1L1	1	1	1	1	1	0	0	0	0	0	1	1	1	1	1
92 RP2	4	4	4	4	4	5	5	5	5	5	9	9	9	9	9
93 RP9	3	4	4	4	4	4	8	8	8	8	7	12	12	12	12
94 RPE65	2	3	3	3	3	3	8	8	8	8	5	11	11	11	11
95 RPGR	17	42	42	42	42	21	40	40	40	40	38	82	82	82	82
96 RPGRI1	7	9	9	9	9	6	7	7	7	7	13	16	16	16	16
97 SAG	15	28	28	28	28	14	30	30	30	30	29	58	58	58	58
98 SDCCAG8	28	57	57	57	57	36	59	59	59	59	64	116	116	116	116
99 SEMA4A	1	1	1	1	1	2	2	2	2	2	3	3	3	3	3
100 SLC7A14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
101 SNRNP200	35	233	233	233	233	51	281	281	281	281	86	514	514	514	514
102 SPATA7	1	1	1	1	1	0	0	0	0	0	1	1	1	1	1
103 TOPORS	21	33	33	33	33	16	26	26	26	26	37	59	59	59	59
104 TTC8	6	7	7	7	7	5	8	8	8	8	11	15	15	15	15
105 TTPA	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	2	2	2	2	2
106 TUB	6	6	6	6	6	9	11	11	11	11	15				