



B

PaFT1	:	-MDMNRERDPLVLRGVIGVDILDFPTTRVSLRVSG-SRIVNSNEIEPKPSAWEQPRVAVGGNDLIRIFTYTLV	:	69
AtFT	:	--MSINIRDPLLVSVVGDVLDPBNREITLKVYQG-QREBVTNGLDURPSQVNQKPEVIEGGDDIRNFYTLV	:	68
AtTSF	:	--MSLSRDRDPLLVSVVGDVLDPBTREISLRLVYQG-HREVTNGLDLRPSQVNQKPEVIEGGDDIRNFYTLV	:	68
CgFT	:	--MNRERDPLVLRGVIGVDILDFPTTRVSLRVYQG-SRIVNSNEIEPKPSAWEQPRVAVGGNDLIRIFTYTLV	:	67
CiFT	:	--MSSRERDPLVLRGVIGVDILDFPTTRVSLRVYQG-NKDVNNNCRELKPSEVNLQPPAEIGGDDIRIFTYTLV	:	68
CpFT	:	--MTRDRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-SRIVNSNEIEPKPSAWEQPRVAVGGNDLIRIFTYTLV	:	67
Hd3a	:	MAGSGRDRDPLVLRGVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-SRIVNSNEIEPKPSAWEQPRVAVGGNDLIRIFTYTLV	:	70
HvFT1	:	--MAGRDRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-NRAVSNSNCELKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	68
LsFT	:	--MMPRERDPLVLRGVIGVDVLDSITKSINLSVYQG-DREVSNSNCELKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	68
MdFT1	:	--MPRDPRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-TKEVANNCCELPKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	67
OnFT	:	--MNRERDPLVLRGVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-TREGTITNLEIKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	67
PnFT1	:	--MRRGTVDPPLVLRGVIGVDVDPBTREISLRLVYQG-TRNQCELPKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	69
PnFT2a	:	--MPRDPRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-SRIVNSNEIEPKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	67
RFT1	:	--MAGSGRDRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-ARIVNSNCELKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	69
SP3D	:	--MPRDPRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-NKDVNNNCRELKPSEVNLQPPAEIGGDDIRIFTYTLV	:	67
StFT	:	--MPRDPRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-NRAVSNSNCELKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	66
TaFT	:	--MAGRDRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-NRAVSNSNCELKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	68
VvFT	:	--MPRDPRDPLVGRVIGVDVLDPBTREISLRLVYQG-NRAVSNSNCELKPSQVWVQOPRVVVGGEEMRIFTYTLV	:	67
PaFT1	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	140
AtFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	139
AtTSF	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	139
CgFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	138
CiFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	139
CpFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	138
Hd3a	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	141
HvFT1	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	139
LsFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	139
MdFT1	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	138
OnFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	138
PnFT1	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	140
PnFT2a	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	138
RFT1	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	140
SP3D	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	138
StFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	137
TaFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	139
VvFT	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	138
PaFT1	:	██████████PQI ²⁰ REYLH ¹⁰⁰ WLVTDIPATTC ¹²⁰ G [*] FGSEI [*] V [*] CYEEPRP [*] PLGIHR [*] RVFVL [*] FOLGR [*] RTVY [*] APGWR	:	180
AtFT	:	██████████PQI ²⁰ FAETIY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRMOD-----	:	178
AtTSF	:	██████████PQI ²⁰ FAETIY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRMOD-----	:	175
CgFT	:	██████████PQI ²⁰ FAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRMOD-----	:	176
CiFT	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRPVVR-----	:	177
CpFT	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGR-----	:	174
Hd3a	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRVYP-----	:	179
HvFT1	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRPMY-----	:	177
LsFT	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGR-----	:	175
MdFT1	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGR-----	:	174
OnFT	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRMOD-----	:	176
PnFT1	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRSPAEPWAAD-----	:	183
PnFT2a	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGR-----	:	174
RFT1	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRVYP-----	:	178
SP3D	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRRSAD-----	:	177
StFT	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGR-----	:	173
TaFT	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRMYN-----	:	177
VvFT	:	██████████PQI ²⁰ TRDFAELNY ¹⁶⁰ NLGPVA ¹⁸⁰ AVYNCOREASGGGRS-----	:	174

Figure S1. A detailed phylogenetic tree of FT proteins from various plants and proteins used for the construction of the tree.