

**Supplementary Table 7. Genomic regions of ROH hotspots on autosomes in ND populations**

Chr	Genomic Region (bp)				ROH Frequency			Identified in previous studies
	Start Pos	End Pos	Size(bp)	No. SNPs	Mean	Min	Max	
chr1	217858445	218136948	278504	57	0.231	0.100	0.455	
chr1	234751417	234963129	211713	73	0.249	0.111	0.429	
chr1	65823585	65971811	148227	54	0.250	0.100	0.400	
chr1	189706700	190022535	315836	83	0.271	0.130	0.546	
chr1	194769459	195143502	374044	72	0.295	0.125	0.500	
chr1	192200338	192587114	386777	73	0.297	0.100	0.600	
chr1	102875719	103530366	654648	142	0.316	0.133	0.615	a,b
chr1	62643671	63039308	395638	105	0.450	0.100	0.833	
chr2	115590935	116112528	521594	76	0.225	0.100	0.600	
chr2	152195028	153009787	814760	102	0.227	0.100	0.455	
chr2	43503284	43619614	116331	81	0.238	0.100	0.444	
chr2	196169696	196779944	610249	57	0.245	0.111	0.455	a
chr2	31446399	31824105	377707	65	0.257	0.100	0.500	
chr2	102250050	102578469	328420	133	0.295	0.100	0.600	
chr2	205867969	205970815	102847	83	0.297	0.111	0.667	
chr2	179111996	179328203	216208	51	0.307	0.125	0.667	
chr2	21085700	21305109	219410	86	0.324	0.100	0.467	
chr2	203244060	204163405	919346	81	0.347	0.100	0.600	
chr2	205852935	206054450	201516	108	0.378	0.100	0.714	
chr2	227363592	227645855	282264	93	0.382	0.100	0.600	
chr2	198115422	198671076	555655	102	0.571	0.143	0.818	
chr3	95981029	96539106	558078	62	0.186	0.111	0.273	
chr3	80493393	81248451	755059	75	0.204	0.100	0.364	a
chr3	56008087	56534284	526198	84	0.213	0.100	0.500	
chr3	118808667	118967152	158486	57	0.225	0.100	0.364	
chr3	146501568	146654665	153098	55	0.229	0.100	0.455	
chr3	156643719	157109119	465401	69	0.259	0.100	0.417	
chr3	157468033	157633355	165323	68	0.262	0.100	0.429	
chr3	40058933	40655323	596391	87	0.264	0.100	0.700	a
chr3	100521612	100868388	346777	80	0.271	0.115	0.636	
chr3	87079948	87548995	469048	93	0.280	0.125	0.500	
chr3	21272699	21425617	152919	60	0.290	0.125	0.600	
chr3	135624538	135878289	253752	101	0.373	0.100	0.692	
chr4	18709017	19159035	450019	67	0.221	0.100	0.400	
chr4	151316842	151798730	481889	54	0.234	0.125	0.500	a
chr4	9511328	9931461	420134	94	0.239	0.100	0.429	
chr4	123224984	123717147	492164	67	0.258	0.143	0.400	
chr4	60641999	60960571	318573	55	0.260	0.100	0.455	
chr4	34023487	34440383	416897	63	0.270	0.143	0.636	a,b
chr4	123883654	124505928	622275	85	0.276	0.100	0.500	
chr4	110878516	111167057	288542	76	0.283	0.100	0.615	
chr4	111853210	111956331	103122	60	0.285	0.100	0.800	
chr4	73028426	73531330	502905	99	0.306	0.100	0.636	a
chr4	82339412	82557755	218344	66	0.359	0.154	0.800	a
chr4	145733911	146246884	512974	80	0.429	0.100	0.600	
chr4	17390030	17785521	395492	113	0.463	0.125	1.000	
chr5	151866059	152320609	454551	63	0.192	0.100	0.400	
chr5	25219044	25554215	335172	57	0.207	0.100	0.429	
chr5	111159013	111488226	329214	63	0.245	0.100	0.500	
chr5	131505933	131960652	454720	73	0.264	0.115	0.600	a
chr5	40340893	40552060	211168	82	0.277	0.100	0.500	
chr5	111531548	111687897	156350	59	0.281	0.136	0.539	
chr5	74379525	75083651	704127	91	0.292	0.100	0.563	
chr5	42110156	42471866	361711	58	0.307	0.111	0.667	a
chr5	150068312	150313891	245580	65	0.346	0.100	0.800	
chr6	62685906	63272102	586197	76	0.188	0.100	0.393	a
chr6	31254418	31316712	62295	95	0.205	0.100	0.500	
chr6	119549906	119926291	376386	63	0.217	0.111	0.400	
chr6	29758110	29799753	41644	81	0.231	0.143	0.364	
chr6	31326814	31343725	16912	69	0.234	0.100	0.429	
chr6	85291123	85699611	408489	70	0.237	0.100	0.400	
chr6	31048484	31107682	59199	132	0.241	0.100	0.500	
chr6	51707528	51860841	153314	63	0.245	0.111	0.818	
chr6	115488672	116072501	583830	56	0.249	0.136	0.500	
chr6	30053249	30088219	34971	93	0.249	0.167	0.500	
chr6	38333644	38577196	243553	65	0.250	0.115	0.546	
chr6	130376102	130539790	163689	68	0.254	0.125	0.600	
chr6	75169971	75454075	284105	54	0.260	0.100	0.556	a
chr6	32680679	32690470	9792	103	0.273	0.100	0.500	
chr6	127514317	127820538	306222	78	0.274	0.107	0.462	
chr6	135798715	136029985	231271	50	0.274	0.111	0.455	
chr6	29838621	29907725	69105	177	0.276	0.167	0.400	
chr6	81439505	81904044	464540	65	0.281	0.100	0.700	
chr6	44747701	45489562	741862	250	0.284	0.100	0.563	
chr6	32694626	32704544	9919	86	0.287	0.100	0.500	
chr6	29663843	29717900	54058	52	0.289	0.133	0.571	
chr6	105236702	105510891	274190	62	0.295	0.100	0.800	
chr6	25859700	26064480	204781	79	0.296	0.100	0.750	

chr6	67962405	68500884	538480	92	0.296	0.100	0.571	
chr6	34654439	35496457	842019	111	0.310	0.100	0.800	a
chr6	30189168	30219842	30675	58	0.312	0.143	0.546	
chr6	31360904	31370848	9945	69	0.316	0.107	0.546	
chr6	31427260	31485026	57767	207	0.323	0.107	0.546	
chr6	30319734	30605469	285736	473	0.324	0.100	0.750	
chr6	32488186	32673883	185698	330	0.324	0.100	0.750	
chr6	20739524	20839503	99980	68	0.328	0.100	0.636	
chr6	29912144	29930933	18790	68	0.342	0.167	0.571	
chr6	27851529	29631936	1780408	787	0.355	0.133	0.667	a
chr6	142638420	142926709	288290	56	0.358	0.100	0.800	
chr6	14601622	14732194	130573	78	0.359	0.100	0.600	
chr6	32313023	32487513	174491	517	0.379	0.100	0.750	
chr6	31120973	31193248	72276	123	0.396	0.107	0.750	
chr6	32744232	32850037	105806	629	0.404	0.100	0.857	
chr6	33126526	33190018	63493	272	0.418	0.100	0.800	
chr6	126523101	127433163	910063	144	0.499	0.100	0.900	
chr7	53635572	54042585	407014	83	0.214	0.100	0.400	
chr7	46137037	46281902	144866	94	0.391	0.100	0.833	
chr7	8566878	8688285	121408	141	0.507	0.125	0.643	
chr8	17794527	17955764	161238	51	0.204	0.100	0.400	
chr8	31611718	31934969	323252	86	0.238	0.100	0.400	
chr8	52689285	53079454	390170	51	0.239	0.143	0.455	
chr8	51531523	51845753	314231	64	0.243	0.136	0.600	
chr8	59283364	59493770	210407	54	0.246	0.111	0.600	
chr8	73185007	73320462	135456	72	0.265	0.100	0.409	
chr8	10951643	11156447	204805	57	0.286	0.143	0.600	
chr8	19857092	19913956	56865	65	0.345	0.154	0.600	
chr8	120016832	120176083	159252	120	0.438	0.136	0.800	
chr9	22015493	22115347	99855	53	0.253	0.143	0.417	
chr9	22583375	22771709	188335	56	0.287	0.154	0.500	
chr9	107575151	107931482	356332	74	0.317	0.100	0.600	
chr10	14248516	14431279	182764	64	0.244	0.111	0.500	
chr10	55220376	55468731	248356	51	0.260	0.111	0.539	
chr10	84943192	85272162	328971	57	0.297	0.143	0.500	
chr10	64400198	65186155	785958	162	0.349	0.100	0.667	
chr10	44057150	44185745	128596	55	0.353	0.120	0.583	
chr10	35194352	35988522	794171	124	0.518	0.100	0.917	
chr11	106595322	106845807	250486	51	0.209	0.111	0.400	
chr11	29018392	29177417	159026	55	0.216	0.100	0.417	
chr11	116250694	116542152	291459	53	0.233	0.100	0.357	
chr11	41707086	42095879	388794	84	0.372	0.100	0.750	
chr11	77575797	78080350	504554	128	0.449	0.100	0.714	
chr11	77575797	77713480	137684	68	0.455	0.167	0.875	
chr12	39573334	39886739	313406	59	0.196	0.111	0.364	
chr12	40002067	40279201	277135	63	0.220	0.133	0.391	
chr12	87163821	87774939	611119	56	0.226	0.100	0.400	a,b
chr12	19096918	19434212	337295	60	0.248	0.100	0.600	
chr12	33228724	34171378	942655	121	0.303	0.115	0.583	
chr12	21065763	21383204	317442	75	0.306	0.107	0.636	
chr13	57170822	57633641	462820	53	0.218	0.111	0.385	
chr13	68760044	69065749	305706	51	0.253	0.100	0.500	
chr13	36891196	36967542	76347	69	0.255	0.100	0.455	
chr13	66975060	67272126	297067	57	0.267	0.100	0.667	
chr13	62484832	62802382	317551	72	0.285	0.111	0.546	
chr14	96309884	96589368	279485	57	0.207	0.100	0.400	
chr14	51509986	51613974	103989	61	0.216	0.100	0.364	
chr14	64316376	64631501	315126	62	0.265	0.107	0.600	
chr14	31062882	31453349	390468	179	0.314	0.100	0.600	
chr15	69866607	70850572	983966	57	0.210	0.111	0.333	a,b
chr15	82196974	82451260	254287	74	0.245	0.107	0.500	
chr15	65479620	65970648	491029	63	0.245	0.143	0.364	
chr15	46172722	46789618	616897	120	0.489	0.100	0.875	
chr16	78364890	78476415	111526	51	0.241	0.100	0.462	
chr17	53817782	54794191	976410	88	0.287	0.100	0.600	
chr18	7468995	7647610	178616	56	0.229	0.111	0.400	
chr18	63469632	63643786	174155	66	0.266	0.111	0.417	
chr20	6240392	6417596	177205	81	0.306	0.100	0.833	
chr20	31989031	32795422	806392	67	0.312	0.100	0.636	
chr20	33202915	33682910	479996	76	0.330	0.130	0.571	a,b
chr20	21475873	22248035	772163	223	0.419	0.100	1.000	
chr21	28907937	30067700	1159764	200	0.288	0.107	0.667	a

Abbreviations: chr-chromosome; ROH-runs of homozygosity, Pos-position, Min- minimum, Max - maximum  
a- Nothnagel M, Lu TT, Kayser M, Krawczak M: Genomic and geographic distribution of SNP-defined runs of  
homozygosity in Europeans. Hum Mol Genet 2010; 19: 2927-2935.

b-Pemberton TJ, Absher D, Feldman MW, Myers RM, Rosenberg NA, Li JZ: Genomic patterns of homozygosity  
in worldwide human populations. Am J Hum Genet 2012; 91: 275-292.