"High evolutionary turnover of satellite families in Caenorhabditis"

JA Subirana, MM Albà and X Messeguer

Supplementary Figures

Figure S1. Distribution of repeat sequences in each chromosome of *C. elegans*.

- Figure S2. Size of satellites, as a function of their position in each chromosome.
- Figure S3. Shared satellite families between pairs of *Caenorhabditis* species.
- Figure S4. Distribution of the (ACTACAA)₂ sequence in chromosome I of *C. elegans* and *C. briggsae*.

Figure S5. Histogram of human satellites.

Figure S1. Distribution of repeat sequences in each chromosome of *C. elegans*. It is clear that all chromosomes have a similar distribution, with the exception of Chromosome X. Satellites longer than 80 bases have been merged into bins of 20 bases.





Figure S2. Size of satellites, as a function of their position in each chromosome. A few satellites are indicated by a square: they are longer than what is indicated in the figure. A more detailed presentation for chromosome I is given in Figure 2.



Figure S3. Shared satellite families between pairs of *Caenorhabditis* species.

	361700	723400	1085100	1446800	1808500	2170200	2531900	2893600	3255300	
•••••	" • • • • • • • • • • •	¦. 	1 1		, , , , , , , , , , , , , , , , , , ,	····		, , , , , , , , , , , , , , , , , , ,	· · · · ·	3.617000
	·····	· · · · · · · · ·		·····	·····				। · · · · · I · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	7.234000
	·····	· · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	····	····	I 			10.851000
·	·····	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			······	·····	·····			14.468000
15,455979										
	402000	804000	1206000	1608000	2010000	2412000	2814000	3216000	3618000	
<u></u>	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	·				,	<u></u>	· · · · • · · · · · · ·		4.020000
	·······	····	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			-				8.040000
	·····	· · · · · · · · ·	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		I I	····			1 1 1	12.060000
!								15.072421		

Figure S4. Distribution of the (ACTACAA)₂ sequence (black) and its reverse complement (blue) in chromosome I of *C. elegans* (lower frame) and *C. briggsae* (upper frame).



Figure S5. Histograms showing the number of human satellites as a function of the length of their repeats.