

Supplementary File S1.

LecRK sequences of *N. benthamiana* and tomato. Highlighted protein sequences were shown to be inconsistent with RNA-seq data. Revised sequences are labelled 'Corrected'. Introns within genomic sequences are underlined.

N. benthamiana LecRK sequences

>NbS00015931g0001.1 Genbank ID: KT225303
MFFKILALIMAAVFLVTSDELGFTYNGFNKRANLTIDGIAQLTPRGLLQLTNTSRLQKGHAFY
PTPINFKNLPNGSNFSFSTTFVFAIVPSVLPGHGMAFVIAPVGGVLVQTLPSFPLGLFNDNTTG
EATNHIFAVEFDLQNFNDIDGNHVGIDINELKSVDSPAGYYASNSVKLNMTLASGQP
MQAWVDYNGMAKQINVTLAPMNMKNVPLLSISCDLSPILNRTMFIGFSGSTGSVVSTQYV
LGWSFRMNGIAQGLDLARLPKLPVGPVKPKSKLLLIALLPLISAVVVVIAFSVLIYYVGRKRKFAE
LLEDWELEYGPHRFKYKDLIATKGFANKELLGCGGFGRVYRGILPNSALEIAVKRVSHESKQ
GLREFVAEIVSIGRLRHRNLVPFLGYCRRKGELLVYECMPNGSLDKFLYDKPRCALKNWNR
FRVIKGVASALVYLHEEWEQVVIHRDVKASNVLLDSELNAKLGDFGLARLYDHGSDPLTTHVI
GTVGYLAPEQTRTGKTTCSVDYAFGAFLLLEVACGRRPIDPRVSDENIVLDYVVFSCWAKG
DILEAIDQNLGSDYVKEEVELVLKLGVLCLQTQPTARPSMRQVLLYLEDDLPLPEISLMQTSST
SLTLAGFDHFPLSYPTSADQPLSWPTSVTNSILSNGR

>NbS00015931g0001.1 Genbank ID: KT225303
ATGTTTTTCAAGATCTTGGCCTTGATTATGGCTGCTGTTTTTGGTCTTGTAACCTCTGAAG
ATCTTGGATTTACTTACAATGGCTTCAATAAAGAGCAAATTTAACTATTGATGGCATAGC
ACAGTTGACACCAAGAGGCTTATTACAGCTAACAAATACTTCTCGGCTGCAGAAAGGCCA
TGCTTTTTACCCTACACCAATAAATTTCAAGAACTTACCAAATGGCTCAAATTTCTCTTTTT
CTACAACCTTTTGTCTTTGCTATAGTGCCTTCAGTTTTGCCTGGTCATGGCATGGCTTTTTGT
AATTGCACCTGTGCGGAGGATTAGTACAAACTTCCAAGCCATTTCTAGGCTTATTTAAT
GATAACACTACTGGTGAAGCCACAAATCATTTTTCGCGGTGGAGTTTGATACCTTCAG
AACAGAGAATTC AATGATATTGATGGTAACCATGTTGGAATTGACATCAACGAATTA A AAT
CTGTTGATTCAAAGCCAGCAGGTTATTATGCTAGCAATAGTGTCAAACCTCAATAACATGA
CTCTTGCTAGTGGCCAACCAATGCAAGCTTGGGTGGACTATAATGGTATGGCAAAGCAA
ATTAATGTCACATTGGCTCCAATGAATATGGCAAACCAATGTTCTCTTTTTGTCTATAT
CCTGTGATCTTTCACCAATTTTAAATAGAACCATGTTTATTGGCTTCTCTGGATCCACAGG
CTCAGTTGTTTCAACACAATATGTTCTTGGATGGAGCTTTAGAATGAATGGAATAGCTCAA
GGGCTTGATCTTGCTAGGCTTCC AAGCTTCTCGAGTTGGACCGAAGAAACCGTCCAA
ACTCTTGTTGATTGCTTTGCCATTGATATCAGCAGTTGTTGTAGTAATAGCCTTCTCTGTG
TTAATTTATTATGTAGGAAGGAAAAGGAAGTTTGCTGAATTGCTTGAAGATTGGGAGCTT
GAATATGGCCCTCATAGGTTCAAGTATAAAGATCTTTATATTGCCACCAAGGATTTGCAA
ACAAAGAGTTGTTGGGTTGTTGGGGGTTTTGGCAGAGTTTATAGAGGCATATTACCTAATT
CTGCTCTTGAGATAGCAGTCAAGAGGGTATCTCATGAATCAAACAAGGGTTGAGGGAA
TTTTGTAGCAGAAATTGTTAGTATTGGTCGACTACGCCATAGAACTTAGTACCATTTTTAG
GCTATTGTAGGAGAAAAGGAGAGTTGCTTTTGGTTTATGAATGTATGCCTAATGGAAGTC
TTGATAAGTTTCTATATGACAAACCAAGATGTGCTCTCAAGTGGAAACCAAGATTTTCGTGT
CATTAAAGGCGTAGCATCAGCGCTAGTCTATCTGCACGAAGAATGGGAACAAGTTGTAAT
TCACAGAGATGTAAGGCAAGTAATGTATTGTTAGACAGTGAGTTAAATGCCAAGTTGGG
GGATTTTGGCTTAGCAAGATTGTATGATCATGGGAGCGATCCGCTCACTACACACGTAAT
TGGAAGTGTAGGATATCTTGCCCTGAACAACTAGAACTGGAAAGGGTACAACATGCA
GTGATGTATATGCTTTTGGTGCATTTTTGCTTGAAGTGGCTTGTGGGAGAAGGCCAATAG
ATCCACGAGTATCGGACGAGAACATAGTTTTGGTTGACTATGTATTTTCTTGTGGGCTA
AAGGTGATATTCTTGAAGCCATTGATCAAAATTTGGGAAGTGATTATGTTAAAGAAGAGG
TTGAGTTGGTATTA A AACTTGGATTAGTTTGTTTACAGACACAACCAACAGCTAGACCAA
GTATGAGGCAAGTGTGCTATATTTAGAAGATGATCTGCCTTTGCCAGAAATATCACTGA
TGCAAACCTTCAAGTACAAGCTTAACTTAGCAGGGTTTGATCATTTTCCATTGT CATATCC
AACTTCTGCTGATCAGCCACTTTCTTGGCCTACTTCTGTTACAAACTCCATTCTCTCCAAC
GGTCGATGA

>NbS00029393g0102.1 GenBank ID: KT225304
MFFNLVILVAFFLVDFAPTSCEVDGFIYNGFQSRNISLDGIAEFTSTGLLLLLTNSNTQDQGHAF
YPNPIHFKNPNNGTAFSFTTFVFAIRSDYGNLSGHGLVAVITPKRGVEGAFPSHHLGLFNST
NNGNSSNHVVGVEFDTIISKEFNDINDNHVGDINDGLDSVAVQPAGYFDETGLFHNLTLISGQP
MQVWVDYDGYTPHINVTLAPLYVTKPVMPLLVLYKYDLSTILDQTMVYVGFSSSTGSVPTHHYIL
GWSFKTNGKAEELSQPLNLPRLGRKEKSRFLTGLPIISLVSLVIATSVVVYIIRKKKFEELL
DDWELDYRQFRYKDLTYATKGFREKELLVGGVGGFKVYKGVMPISKLVIAVKKISQESQQG
MKEFVAEIVSIGRIQHRNLVPLLGYCRRKGELLVYEMPNGSVDKYLFQDPRFTLDWNQRF
RVIRGVASGLFFLHEECDHVVVHRDIKASNVLDDGELNGLRGLDFGLARLYGHGTDQPQSTRVV
GTLGYLAPEYARTGRATPSSDVFSFGAFLELVACGRRPIEPRQDSDDLILVDWVFFCWNRG
NILQVVDPNIGIDFVQGVQVELVLKLGLLCSHSEPSFRPTMRQILLFLDGVVALPELSALGISSA
GLTFDHRDGFDDFVKSYPSSLGNAHSRGLSVTDSLLSEGR

>NbS00029393g0102.1 GenBank ID: KT225304
ATGTTTTCAATCTTGTCATACTAGTGGCTTTCTTCTTAGTTGATTTTGCACCAACTTCTTG
TGAAGTTGATGGATTCATTTACAATGGATTCCAATCAAGGAATATTAGCTTGGATGGCATA
GCTGAATTCACATCAACTGGCCTTTTGTCTATTAACAAATTCTAACACACAAGATCAAGGC
CATGCTTTTTATCCAAATCCAATTCATTTCAAGAATTCACCAAATGGTACTGCATTTTCTTT
CTCCACAACCTTTTGTGTTTGCACATAAGGTCTGATTATGGAAATTTGAGTGGTCATGGACT
GGTTTTCGTTATCACGCCAAAAGAGGAGTTGAGGGGGCTTTTCTAGCCACCATCTTG
GCCTTTTTAACTCAACCAATAATGGAAATAGTTCAAACCATGTTGTTGGAGTTGAATTTGA
TACAATCATAAGCAAGGAATTCATGACATAAATGACAATCATGTTGGAATTGATATCAAT
GGATTGGATTCTGTAGCAGTTCAACCAGCAGGTTATTTTATGAAACTGGTTTGTTCATA
ACTTGACTCTTATTAGTGGCCAGCCAATGCAAGTTTGGGTGGATTATGATGGCTACACTC
CGCATATTAATGTAACATTAGCTCCATTATATGTGACAAAACCAGTTATGCCACTCTTGGT
TTTGAAGTATGATCTTTCAACAATTCTTGATCAGACTATGTATGTTGGTTTTTCATCATCAA
CTGGTTCAGTCCCAACACATCATTATATCTTGGGATGGAGTTTCAAGACAAATGGAAAAG
CTGAAGAACTTTCTCAACTTCCAATCTTCTCGTCTCGGGCGCAAAGAGAAATCAAGAT
TTTTAACAACTGGTTTGCCAATAATCTTTGGTATCTTTAGTTATAGCAACCTCAGTAGT
GGTGTATTACATAAGAAGGAAGAAGAAATTCGAAGAACTTCTTGATGATTGGGAACCTGA
CTATAGACCACAAAGGTTCAAGTATAAAGATTTGTACACTGCTACTAAGGGATTGAGAGA
AAAGGAACCTATTGGGAGTTGGAGGATTTGGTAAAGTTTACAAAGGAGTATGCCTATTTT
GAACTTGTGATAGCAGTAAAGAAGATATCTCAAGAATCACAAACAAGGAATGAAGGAATT
TGTTGCAGAGATTGTAAGCATCGGTCGTATACAACACAGGAATTTAGTACCACTTTTAGG
ATATTGCAGGAGAAAAGGAGAGTTGCTTTTGGTTTATGAATACATGCCTAATGGAAGTGT
AGACAAGTACTTATTTGATCAACCAAGATTTACCTCGATTGGAACCAACGGTTTCAAGT
CATTAGAGCGTTGCATCAGGACTGTTCTTCTCACGGAAGAATGTGACCACGTAGTTGT
TCATCGAGATTAAGGCTAGTAATGTCTTGTGGATGGTGAACCTAAATGGAAGATTAGG
AGACTTTGGCCTCGCGAGGCTATATGGTCATGGAACCGATCCTCAGTCTACTCGCGTCTG
TCGGTACTCTTGGTTACCTTGCACCAGAGTATGCTAGAACTGGTAGAGCAACACCTAGTA
GTGATGATTTTTCTTTTGGTGCTTTTTTGTCTGAAGTTGCCTGTGGTAGGAGGCCGATAG
AGCCAAGACAAGACAGTATGATCTGATTTTGGTTCGATTGGGTGTTCTTTTGTGGAATA
GAGGTAATATTCTTCAAGTTGTTGATCCAAACATAGGCATTGATTTTGTCAAGGGCAAG
TGGAGTTGGTCTTAAAGTTAGGCTTGTGCTCTCATTGAGAGCCTTCGTTTAGGCCAA
CCATGCGACAAATCTTGTGTTCTTGGATGGTGTGTTGGCATTACCAGAGTTATCAGCAC
TCGGCATTTCATCAGCTGGCCTAACATTTGATCATCGTGATGGTTTTGATGATTTTGTCAA
GTCATATCCGTCATCTTTGGGTAATGCACATTCGCGGGTCTATCAGTAACTGACTCTCT
TCTCTCTGAAGGCCGATGA

>NbS00010453g0003.1
MDKPYCLVILAFICTILVRAHSFDLYNGFNKSDIMTDGVAYINPSGALKLTNRSYHVIGHAFH
PKPIPFNSSTNSTAKNASSFSTNFVFAIVPLKNTPGGFGFAFTLSPSPSFGAQQGDHFLGVL
NSKNDGNATNHIFLVEFDTVNGHNEGVDKDGNIHIGININGMRSIASNSADYHINDTSETEQIY
LQGGDRIQAWIDYDGVKVVNVTVAPISIPKPIQPLISESIDLSPVMKETMYAGFSAATGDKAS
SHYILGWSFRLNGAADPLNPSELPTAPPEVVTSSKNSHLKKALIAAISSMVFLIIVASVIVYIRR
MVQHEVLEDWELDCPHRFYRDLKAAKGFVSELIGVGGFGAVYKILPTNGAEVAVKRIA
SNSLQGMREFAAEIESLGRRLRHKHLVNLQGWCKTKNDLLLVDYIPNGSLDSSLYRPNKNDIVL
AWDRRFNIIKIAAGLLYLHEEWEQVVIHRDVKSSNVLIDGEMNGKLGDFGLARLYDHGKNS
HTTNVVGITIGYIAPELSRTGKASTSDIYAYGVLLLEVASGRPPYIYEPGQALVLADWVIECL
QLGNILDAVDPKLNAYVDKEVRMGALVLADWVIECLQLGNILDAVDPRLNSAYVDKEVKMIL

GLLLCSHRPEARPTMRQVMRYLNGDESLQISEQLSSVSGSRVDEITSKFLDVFASDTISIS
RRTFSIGQMSSSSLNAGR

>NbS00010453g0003.1 Corrected; GenBank ID: KT225305
MDKPYCLVILAFICTILVRAHSFDLYNGFNKSDIMTDGVAYINPSGALKLTNRSYHVIGHAFH
PKPIPFNSSTNSTAKNASSFSTNFVFAIVPLKNTPGGGFGAFTLSPSPSFPGAQGDHFLGVL
NSKNDGNATNHIFLVEFDTVNGHNEGVDKDGNIHIGININGMRSIASNSADYHINDTSETEQIY
LQGGDRIQAWIDYDGVKVVNVTVAPISIPKPIQPLISESIDLSPVMKETMYAGFSAATGDKAS
SHYILGWSFRLNGAADPLNPSELPTAPPEVVTSSKNSHLKALIAAISSMVFLIIVASVIVYIRRR
MVQHEVLEDWELDCPHRFYRDLYKAAKGFKVSELIQVGGFGAVYKGILPTNGAEVAVKRIA
SNSLQGMREFAAEIESLGRRLRHKHLVNLQGWCKTKNDLLLVDYIPNGSLDSLRYRPNKNDIVL
AWDRRFNIIKGIAAGLLYLHEEWEQVVIHRDVKSSNVLIDGEMNGKLGDFGLARLYDHGKHS
HTTNVVGITIGYLAPELSRTGKASTSDIYAYGVLLLEVASGRPPIIYEPGQALVLADWVIECL
QLGNILDAVDPKLNAYVDKEVRMVLGLLLCSHRPEARPTMRQVMRYLNGDESLQISEQ
LSSVSGSRVDEITSKFLDVFASDTISISRRTFSIGQMSSSSLNAGR

>NbS00010453g0003.1 Corrected; GenBank ID: KT225305
ATGGACAAGCCCTATTGCCTTGTATTATTCTTGCATTCAATTTGCACTATTCTTGTAAAGAG
CTCATTCTTTTATTCTTTATAATGGATTCAATAAGTCAGATATCATGACTGATGGAGTT
GCATATATCAATCCTAGTGGTGCCTTAAGCTTACTAATAGATCATACCATGTTATAGGAC
ATGCTTTCCATCCCAAACCTATAACATTTTTCAACTCTAGTACTAATTCCACTGCTAAAAAT
GCTTCTTCATTTAGTACAACTTTGTCTTCGCCATTGTCCCTCTTAAGAACAACCTCCAGGTG
GCTTTGGCTTTGCTTTACCTTATCTCCATCCCCGAGTTTTCTTGGTGTCAAGGCGATC
ACTTTCTTGGAGTCTCAATTCAAAGAACGATGGCAATGCTACTAACCACATCTTTTTGGT
CGAATTTGACACTGTGAATGGTCACAATGAAGGTGTGGACAAAGATGGCAACCACATTG
GAATCAACATCAATGGCATGAGGTCTATCGCATCAAACCTCAGCCGATTACCATATTAATG
ACACTTCTGAAACAGAACAGATATATCTACAAGGTGGAGACCGGATTCAGGCTTGGATA
GATTACGATGGAGTAAAGAAAGTGGTAAATGTAAGTGTGGCTCCAATATCAATCCAAAG
CCAATCAACCTCTAATTTCTGAGTCCATAGACTTGTCCCAGTGATGAAGGAAACTATG
TATGCTGGTTTCTCAGCAGCCACAGGAGATAAAGCAAGCTCTCATTACATCTTGGGTTGG
AGTTTTCGGTTGAATGGAGCTGCTGATCCATTAATCCCTCTGAGCTACCTACTGCCCA
CCTGAAGTGGTAACATCCTCCAAGAATTCATCTTAAAAGGCCTTGATCGCAGCAATT
TCCTCCATGGTTTTCTGATCATTGTGGCATCAGTAATTGTTTATATCCGCAGAAGAATG
GTGCAACATGAAGTCTAGAGGATTGGGAGCTGGATTGTCTCACAGGTTGAGATACAG
AGATCTTTACAAGGCAGCCAAGGGATTCAAGGTGAGCGAATAATTGGAGTTGGAGGCT
TCGGTGTCTTTACAAAGGTATCTTCCCATAATGGAGCTGAGGTTGAGGTTGAGGTTGAGG
ATAGCAAGCAATCTCTCAGGGAATGAGAGAATTTGCTGCGGAGATTGAAAGCTTAGG
CAGGTTAAGGCACAAACACTTGGTCAACCTTCAAGGCTGGTGTAAAGACAAAGAATGATCT
TCTCCTAGTGTATGACTATATCCCAAATGGAAGTCTTGATTCACTTTATAGACCAAAA
AATGACATTGTTCTAGCATGGGACCGGAGATTTAACATCATCAAAGGGATTGCTGCAGG
GCTTCTTTACTTGCACGAAGAATGGGAGCAAGTGGTAATACATCGAGACGTGAAGAGCA
GTAACGTCCTTATTGATGGTGAATGAATGGTAAATTAGGGGATTTGGGCTTGAAGAT
TATATGATCATGGCAAGCATTACACACAACAATGTTGTAGGAACAATAGGGTACCTTG
CACCCGAATTATCACGAACAGGGAAGGCCTCAACGAGCACAGATATTTATGCGTATGGT
GTACTACTTCTTGAAGTAGCTAGTGAAGACCACCTATTATCTATGAACCAGGGCAAGGA
GCTCTGGTACTAGCAGATTGGGTGATAGAATGTCTTCAACTAGGTAATATTCTTGATGCA
GTTGATCCTAAGTTGAATTCTGCCTATGTCGATAAAGAGGTGAGAATGGTTTTGGGACTT
GGGCTTCTTTGTTCTCACCAAGACCAGAAGCTAGGCCAACCATGAGACAAGTAATGAG
GTACCTCAATGGAGATGAATCGCTTCAAATTTCTGAGCAATTGAGCTCTGTTGGATCGGG
CAGGGTTGATGAAATCACATCCAAGTTCTTAGATGTGTTTGCTAGTGATACAATCAGTATA
TCACGACGTACATTTCCATCGGACAGATGTCATCTAGTTCCCTAATGCTGGTAGATAG

>NbS00005128g0014.1
MDKPYCLVILVFFYITILVRAHSFGFIYNGFNKSDIMTDGVAYINPSGALKLTNRSYHVIGHAFH
PKPIPIFNSSTNSTAKNASSFSTNFVFAIVPLKNTPGGGFGAFTLSPSPSFPGAQGDHFLGVLN
STNDGNDTNHIFLVEFDTVNGYNEGVDTDGNIHIGININGMKSIA SQPAYYYVNDTSKTEEVNL
EREESIQAWVDYDGVNKKVVNVTVSPKSIPKPIQPLISKSIDLSSVMKETMYAGFSAATGDKAS
SHYILGWSFRLNGAADPLNPSELPTAPPEVVS ELI QVGGFGAVYKGILPTNGAEVSELIGVGG
FGAVYKGILPTNGAEVAVKRIASNSLQGMREFAAEIESLGRRLRHKHLVNLQGWCKTKNDLLL
VYDYIPNGSLDSLRYRPNKNDIVLAWDRRFNIVPNGSLDSLRYRPNKNDIVLAWDRRFNIIKGIAA

GLLYLHEEWDQVVIHRDVKSSNVLIDGEMNGKLGDFGLARLYDHGKHSHTTNVVGITIGYLAP
ELSRGTGKASTSTDVYAYGVLLLEVASGRPPIIYEPGQGALVLADWVIECLQLGNILDAVDPRL
NSAYVDKEVKMILGLLLCSHPRPEARPTMRQVMKYLNGDESLQISEQLSSVGSGRVDEITS
KFLEVFASDTINISRHTFSIGQMSSSSSLNADRSSISGAFII

>NbS00005128g0014.1 Corrected; GenBank ID: KT225306
MDKPYCLVILVFFYITILVRAHSFGFIYNGFNKSDIMTDGVAYINPSGALKLTNRSYHVIGHAFH
PKPIPIFNSSTNSTAKNASSFSTNFVFAIVPLKNTPGGFGFAFTLSPSPSFPGAQGDHFLGLVNL
STNDGNDTNHIFLVEFDTVNGYNEGVDTDGNHIGININGMKSIA SQPAYYYVNDTSKTEEVNL
EREESIQA WVDYDGVNKKVVNTVSPKSIPKPIQLISKSIDLSSVMKETMYAGFSAATGDKAS
SHYILGWSFRLNGAADPLNPSELPTAPPEVVTSSKNSYLKALIAAFSSTVFLIIVSVIVHIRR
RMVQHEVLEDWELDCPHRFYRDLYKATRGFKVSELIGVGGFGAVYKGIPTNGAEVAVKRI
ASNSLQGMREFAAEIESLGRRLRHKHLVNLQGWCKTKNDLLLVDYDVPNGSLD SLLYRPKNDI
VLAWDRRFNIIKGIAGLLYLHEEWDQVVIHRDVKSSNVLIDGEMNGKLGDFGLARLYDHGK
HSHTTNVVGITIGYLAP ELSRGTGKASTSTDVYAYGVLLLEVASGRPPIIYEPGQGALVLADWVI
ECLQLGNILDAVDPRLNSAYVDKEVKMILGLLLCSHPRPEARPTMRQVMKYLNGDESLQIS
EQLSSVGSGRVDEITSKFLEVFASDTINISRHTFSIGQMSSSSSLNAGR

>NbS00005128g0014.1 Corrected; GenBank ID: KT225306
ATGGACAAGCCCTATTGCCTTGTTATTCTTGTATTCTTTTACACTATTCTTGTAAAGAGCTC
ATTCTTTTGGTTTTATTTACAATGGATTCAATAAGTCGGATATCATGACTGATGGAGTTGC
ATATATCAATCCTAGTGGTGC ACTTAAGCTTACCAATAGATCATACCATGTTATAGGCCAT
GCTTTCCACCCCAAACCTATACCAATTTTCAACTCTAGTACTAATTCCACTGCTAAAAATG
CTTCTTCATTTAGTACAAACTTCGTCTTCGCCATTGTCCCTCTTAAGAACACTCCAGGTGG
CTTTGGCTTTGCTTTACCTTATCTCCATCCCCGAGTTTTCTGGTGCTCAGGGCGATCA
CTTTCTGGAGTCTCAATCAACGAACGATGGCAATGATACTAACCACATCTTTTTGGTT
GAATTTGACACAGTGAATGGCTACAATGAAGGTGTGGACACAGATGGCAATCACATTGG
AATCAACATCAATGGCATGAAGTCTATCGCATACAACCAGCCTATTACTATGTCAATGA
CACTTCTAAAACAGAGGAGGTAATCTAGAAAGAGAAGAATCAATTCAGGCTTGGGTAGA
TTATGATGGAGTAAACAAAGTGGTAAATGTAACAGTATCCCCCAAATCAATTCCAAAGCC
AATCAACCTCTAATCTCTAAGTCCATAGACTTGTCTCAGTGAAGGAACTATGTAT
GCTGGCTTCTCAGCAGCCACAGGAGATAAAGCAAGCTCGCATTACATCTTGGGTTGGAG
TTTTCGGTTGAATGGAGCTGCTGATCCATTAATCCCTCTGAGCTACCTACTGCCCCACC
TGAAGTGGTAACATCCTCCAAGAATTCCTATCTTAAAAGGCCTTGATCGCAGCATTTTC
CTCCACGGTTTTCTGATCATTGTGGTATCAGTAATTGTTTCATATCCGCAGAAGAATGGT
GCAACATCAAGGTTCTAGAGGATTGGGAGTGGATTGCTCCTCACAGGTTTAGATACCGAG
ATCTTTACAAGGCAACCAGGGGATTCAAGGTCAGTGA ACTAATTGGAGTTGGAGGCTTT
GGTGCTGTTTACAAGGGTATTTTGCCTACTAATGGAGCTGAGGTTGCAGTGAAGAGGAT
AGCGAGCAATTCTCTTCAAGGAATGAGAGAATTTGCAGCGGAGATTGAAAGCTTAGGCA
GGTTAAGGCACAAACACTTGGTCAACCTTCAAGGCTGGTGTAAAGACAAAGAATGATCTTC
TCCTAGTGTATGACTATGTCCCAAATGGAAGTCTTGATTCTGTTACTTTATAGACCGAAAAA
CGACATTGTTCTAGCATGGGACCGGAGATTTAACATCATTAAAGGGATTGCTGCAGGGC
TTCTTTACTTGCACGAAGAATGGGATCAAGTGGTAATACATCGAGACGTGAAGAGCAGTA
ACGTCCTTATTGATGGTGAATGAATGGTAAATTAGGGGATTTTGGGCTTGAAGATTAT
ATGATCATGGCAAGCATTACACACAACAAATGTTGTAGGAACAATAGGGTACCTTGCAC
CCGAATTATCACGAACAGGGAAGGCCTCAACGAGCACAGATGTTTATGCATATGGGGTA
CTACTACTTGAAGTAGCTAGTGGGAGACCACCTATTATCTATGAACCAGGGCAAGGAGC
TCTGTTCTAGCAGATTGGGTTATAGAATGTCTTCAACTAGGTAATATTCTTGATGCAGTT
GATCCTAGGTTGAATTCTGCCTATGTGATAAAGAGGTGAAAATGATTTTGGGACTTGGG
CTTCTTTGTTCTCACCAAGACCAGAAGCTAGGCCAACCATGAGACAAGTAATGAAGTAC
CTCAATGGAGATGAATCGCTTCAAATTTCTGAGCAGTTGAGCTCTGTTGGGTGCGGGCAG
GGTTGATGAAATCACATCCAAGTTCTTGAAGTGTGTTGCTAGTGATAACAATCAATATATCA
CGCCATACATTTTCCATCGGACAGATGTCATCTAGTTCCTAAATGCTGGTAGATAG

>NbS00024573g0008.1
MNQALETLLLYLLITIIIFSSVQSVSAIDFVFNKPSDLSLFGIATIESGILTLTNDSTFSIGRALH
PPKIVTKAPNSAQVLPFSTSFIFAMAPFKDRLPGHGIVFLVFPQTGIDGTTSSQNLGFLNFTNN
GNPDNHVFGVEFDVFNKQEFNDINDNHVGDVNSLASVFAHEAGYWPDKYSKFSDDGNLNE
ESFETLKLNNGRNYQWIDYADFQINVFKEEMYVGF TASTGDLAQVSLFLIKRNRMRKRERE
EMEDWELEYWPHRISYQEIDAATKGFADENVIGGNGKVYKGVLAGSSEVAVKRISHESSE

GARQFLAEISSLGRKLRNLVSLRGWCKKDRHSLILVYDYMENGLDKRLFECDETNMLSFE
DRIRILKDVASGVLYLHEGWAEKVLHRDIKASNVLLDKDMNARLGDFGLARMHDHGQVANTT
RVVGTGVLAPFVKTGRASQTDFVGYGVLVLEVMCGRRPIEDGKPLLDWLWELMRR
GECDVWKEAYRGRRRAPFIGLAVGTNETRQID

>NbS00024573g0008.1 Corrected; GenBank ID: KT225307
MNQALETLLLYLLITIFSSVQSVSAIDFVFNFGFKPSDLSLFGIATIESGILTLTNDSTFSIGRALH
PPKIVTKAPNSAQVLPFSTSFIFAMAPFKDRLPGHGIVFLFVPQTGIDGTTSSQNLGFLNFTNN
GNPDNHVFGVEFDVFKNQEFNDINDNHVGDVNSLASVFAHEAGYWPDKYSKFSDDGNLNE
ESFETLKLNNGRNYQVWIDYADFQINVTTAPVGMKRPKQPLLDPLNLSQVFKEEMYVGF
STGDLAQGHKILAWSFSNSNFRISDALITQGLPSFELPKDPVHRKSGFIAGMTVSLFLVVVTV
VVSLFLIKRNRMREREEMEDWELEYWPHRISYQEIDAATKGFADENVIGGNGKVYKGV
LTGSLEVAVKRISHESSEGARQFLAEISSLGRKLRNLVSLRGWCKKDRHSLILVYDYMENGL
SLDKRLFECDETNMLSFEDRIRILKDVASGVLYLHEGWAEKVLHRDIKASNVLLDKDMNARLG
DFGLARMHDHGQVANTTRVGTGVLAPFVKTGRASQTDFVGYGVLVLEVMCGRRPIE
DGKPLLDWLWELMRRGELINAFDRRLRSTQDFNEEEALRVLQLGMICASMDPKARPTMRQ
VVKFFERNSEADESEAEDMDVYLLETLSRNTMLSNFSLSLSHGSHPTFEEIREGLSSSMSIS
WTNSLVDGR

>NbS00024573g0008.1 Corrected; GenBank ID: KT225307
ATGAACCAAGCCCTAGAACTCTTCTTCTACCTGCTGATAACCATAATATTTTCTAGTG
TTCAATCAGTTTCAGCTATTGATTTTGTGTTAATGGCTTTAAACCATCAGATTTATCACTG
TTTGGGATTGCTACAATTGAATCTGGAATACTTACTTTACAAATGACTCAACTTTCTCAA
TTGGCAGGGCTCTACACCCTCAAAGATTGTCACAAAAGCACCAAATTCAGCACAAAGTTC
TTCCCTTTTCAACATCTTTTCAATTTTGAATGGCTCCTTTTAAAGGATAGGCTACCAGGACA
TGGCATAGTTTTCTTGTGTTGTGCCACAAACAGGTATCGATGGTACTACTTCTTACAAAAT
TTAGGCTTTTTGAACCTTACAAATAATGGGAATCCTGATAATCATGTTTTTGGGGTTGAAT
TTGATGTGTTCAAGAATCAAGAATCAATGACATAAATGACAACCATGTTGGAATTGATGT
TAATTCTCTTGCATCAGTGTGTTGCTCATGAAGCAGGCTATTGGCCTGATAAGTACAGCAA
GTTTAGCGATGATGGTAACTTAAATGAAGAGTCTTTTCGAGACTTTAAAGTTGAATAATGGA
AGAAATTACCAAGTTTGGATTGACTATGCAGATTTTCAGATTAATGTGACTACGGCACCA
GTTGGTATGAAAAGGCCTAAGCAACCTTTGTTGGATTTTCCCCTCAATCTTTCTCAGGTTT
TTAAGGAAGAGATGTATGTGGGGTTCCTGATCCACTGGAGATCTTGCTCAAGGTCAC
AAAATTTTAGCTTGGAGTTTAGTAACCTCGAATTTTCGGATAAGTGATGCTTTAATCACAC
AGGGTTTGCCTTCAATTTGAGCTGCCTAAAGATCCAGTTCATCGATCAAAGGGTTCATTG
CAGGTATGACAGTGTCACTCTTGTGTTCTTGTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG
GATTAAGAGAAATAGGAGAATGAAAAGGGAAAGAGAGAAATGGAAGATTGGGAATTGG
AATATTGGCCACATAGGATAAGTTATCAGGAAATTGATGCTGCCACAAAGGGTTTTGCTG
ATGAAAATGTGATTGGAATTGGAGGTAATGGGAAGGTATATAAAGGTGTTTTGACTGGGA
GTTTAGAGGTTGCAGTAAAGCGCATTCTCATGAAAGCAGTGAAGGGGCAAGACAATTC
TTGGCTGAGATTTCAAGTCTCGGTAGGCTAAAGCACAGAAATTTGGTGTCACTAAGAGG
CTGGTGCAAGAAAGACCGACACAGCTTGAATTTGGTTTATGATTATATGGAAAATGGGAG
TTTGGATAAAAGGCTGTTTGAATGTGATGAGACGAACATGTTGAGTTTTGAAGATAGAAT
TAGGATTTTGAAGATGTGGCATCAGGAGTTCTATACTTGCATGAGGGATGGGAGGCAA
AAGTGTACATAGGGACATTAAGGCTAGCAATGTTTTACTTACAAGGACATGAATGCAA
GACTAGGTGATTTTGGTCTAGCCAGAATGCATGATCATGGTCAAGTGGCTAACACGACT
CGAGTTGTTGGCACAGTAGGTTACCTGGCACCAGAGTTTGTCAAGACTGGTCTGTCCTC
TACACAACTGATGTGTTTGGATATGGAGTTTTAGTTTTGGAGGTGATGTGTGGAAGGAG
GCCTATAGAGGAGGATGGCAAGCCCCCTTTATTGGATTGGCTGTGGGAACATAATGAGAC
GAGGCGAATTGATTAATGCCTTTGACCGTTCGATTAAGGACGAGTCAAGATTTCAATGAAG
AGGAAGCATTAAAGAGTATTGCAATTAGGCATGATATGCGCGAGCATGGACCCCAAAGCT
AGGCCAACTATGAGACAAGTAGTGAAATCTTTGAAAGGAACAGTGAGGCTGATGAATCT
GAAGCTGAGGATATGGATGTTTACCTTCTGGAGACTTTGAGATCCAATACCATGTTGTCC
AATTTTTCTTGGATTTGAGCCATGGTTCACACCCAACATTTGAAGAAATTAGAGAAGGTT
TGCTTCTTCCATGTCCATTTCTTGGACAAATCTTTGGTGGATGGTAGGTGA

>NbS00025337g0001.1 GenBank ID: KT225308
MNLKTLLLYLLITIFSCIQSVSAIDFVFNFGFKSSDISLFGIATIESRILTLTNDSTFSIGRALHPSKIV
TKAPNSSQVLPFSTSFIFAMAPFKDRLPGHGIVFLFVPQTGIDGTTSSQNLGFLNFTNNGNPD
NHVFGVEFDVFKNQEFNDINDNHVGDVNSLASVFDHEAGYWPDKYNKFSDDGSLNEESFE

WELMKRGELSNAFDNQLKSNKGFNEEEALRVLQLGMICASLDPTRPTARQVVKFFERNSD
GAESEADMDAYLLES MRHNTMLTNYCSSMPISWTNSLVEGR

>NbS00032834g0007.1 Corrected; GenBank ID: KT225309
MKQYLKTLLEYLLITLSSIQSASATDFVFNFSKPSDISAYGDATIESGILSLTLDVAYFSDGRAL
HPSKIVTKAPNSSQVLPFSTSFIFAMAPYRDLRPGHGMVFLFVPHTTGMSSSSSQNLGFLNF
TNNGNPDNHVFGVEFDVFRNQEFNDINNNHVGDVNSLESVFEVHEAGYWPDKYNKYNDNG
SLNEEFETLKLNNKNYQVWIDYADFHINVTMAPVGMKRPKQPLDFPLNLSQVFKDEMYV
GFTASTGMLAQGHKILAWSFSNSNFSISDALITQGLPSFELPKDLIYRSKGFIVGMTMSLFFLV
VVTSVASFLIKRNRRLKREKEGIEDWELEYWPHRITYQEIDAATKGFADIVIGVGGNGKVY
KGVLAGGSEVAVKRM SHDNCEGERQFLSEISSLGR LKHRNLVALRGWCKKGGGSLIVVYDY
MENGLDKKLFECDKGNMLSFEDRIKILKDVASGVLYLHEGW EAKVLHRDIKASNVLDDKEM
HARIGDFGLARMHDHGQVAKETRVVGTVGYLAPEFAKTGRASTQTDLFSYGV LILEVMCGR
RPIEEGKPPLVDWLWELMKRGELSNAFDNQLKSNKGFNEEEALRVLQLGMICASLDPTRPT
TARQVVKFFERNSDGAESEADMDAYLLES MRHNTMLTNYCSSMPISWTNSLVEGR

>NbS00032834g0007.1 Corrected; GenBank ID: KT225309
ATGAAGCAATACCTAAAACTCTTCTTCTCTACCTGCTAATAACCATACTTTCTAGTATTCA
ATCAGCTTCAGCAACTGATTTTGTCTTCAATAGCTTTAAACCATCAGATATATCAGCATAT
GGAGATGCTACAATTGAATCTGGAATACTTAGTCTTACCCTTGATGTAGCTTACTTTTCAG
ATGGTAGAGCTCTACACCCTTCAAAAATTGCTACTAAAGCACCCAATTCATCTCAAGTTCT
TCCCTTTTCAACATCTTTCATTTTTGCTATGGCGCCTTATAGGGACAGGCTACCAGGACA
TGGCATGGTTTTCTTGTGTTGTGCCACACACCACAGGTATGTCGAGTTCTTCTTCACAGAA
TTTAGGTTTTCTTGAACCTCACAAATAATGGGAATCCCGATAACCATGTCTTTGGGGTTGA
GTTTGATGTTTTCAGGAATCAAGAATCAATGACATAAATAACAACCATGTTGGAATTGAT
GTCAATTCTCTTGAATCAGTGTGTTGTTGATGAAGCAGGCTATTGCCTGATAAGTACAATA
AGTATAATGATAATGGTAGCCTAAATGAAGAATATTTTCGAGACTTTAAAGTTGAATAATGG
AAAAACTACCAAGTTTGGATTGACTATGCAGATTTCCACATTAATGTTACTATGGCACCA
GTTGGTATGAAAAGGCCTAAGCAACCTTTGTTGGATTTCCCTCTGAATCTTTCTCAAGTTT
TTAAGGATGAGATGTATGTGGGGTTCACAGCCTCCACTGGAATGCTTGCTCAAGGTCAC
AAGATTTTAGCTTGGAGTTTTAGTAACTCTAATTTTTCGATTAGTGATGCTTTGATCACAC
AAGTTTTGCCGTTAGAATTATGATTCGACTAAACACAATAGCCTTCATATCGAATAATT
TGGAATAACAACATGAACGGAAGCATACTGAATCCATATGTGGAATCCTTAAGCCTCC
TTTTGATGATTGTTGAAAGCTCCTTGATCCTTTCTTCAAGATTGACTTACAAATAATG
GGAATCCCGATAACCATGTCTTTGGGGTTGAGTTTGTATGTTTTCAGGAATCAAGAATTCA
ATGACATAAATAACAACCATGTTGGAATTGATGTCAATCTCTTGAATCAGTGTGTTGTTCA
TGAAGCAGGCTATTGGCCTGATAAGTACAATAAGTATAATGATAATGGTAGCCTAAATG
AGAATATTTTCGAGACTTTAAAGTTGAATAATGGAAAAACTACCAAGTTTGGATTGACTAT
GCAGATTTCCACATTAATGTTACTATGGCACCAGTTGGTATGAAAAGGCCTAAGCAACCT
TTGTTGGATTTCCCTCTGAATCTTTCTCAAGTTTTTAAGGATGAGATGTATGTTGGGTTCA
CAGCCTCCACTGGAATGCTTGCTCAAGGTCACAAGATTTTAGCTTGGAGTTTTAGTAACT
CTAATTTTTCGATTAGTGATGCTTTGATCACACAAGGTTTGCCTTCATTTGAGCTTCCTAA
AGATCTAATTTATCGATCGAAGGGGTTTATTGTAGGTATGACAATGCTACTTTTTCTTTCTT
GTTGTGGTCACTTCTGTAGCTTCATTATTTCTGATTAAGAGAAATAGGAGACTAAAAAGG
GAAAAAGAGGTATAGAAGCTTGGGAATTGGAATATTGGCCACATAGGATTACTTATCAAG
AAATGATGCTGCAACAAAGGGTTTTGCTGATGAAATTGTGATTGGAGTTGGAGGTAATGG
GAAGTTTTATAAAGGGGTTTTGGCTGGGGGTTGAGAGTTGCAGTAAAGCGCATGTCTC
ATGACAACCTGTGAAGGGGAAAGGCAATTCTTGAGTGAGATTTCAAGTCTTGGTAGGCTAA
AGCACAGAAATTTGGTGGCATTAAAGAGGCTGGTGCAAGAAAGGTGGAGGCAGCCTGATT
GTGGTTTATGATTATATGAAAATGGGAGCTTGGATAAAAAGCTGTTTGAATGTGATAAG
GAAAACATGTTGAGTTTTGAAGACAGAATTAAGATTTTGAAGATGTGGCATCAGGGGTT
TTACTTGCATGAGGGGTGGGAGGCAAAAGTGTTCATAGGGACATTAAGGCTAGCAA
TGTTTTACTTGACAAGGAAATGCATGCAAGAATTGGTGATTTTGGTCTAGCAAGAATGCA
TGATCATGGTCAAGTGGCTAAGGAGACTCGAGTTGTTGGCACAGTTGGTTACCTGGCGC
CAGAGTTTGCCAAGACAGGCCGTGCCTCCACGCAAACCTGATTTGTTGAGTTATGGAGTT
CTAATATTGGAGGTGATGTGTGGAAGGAGGCCAATAGAGGAAGGCAAGCCACCTTTAGT
GGATTGGCTGTGGGAATAATGAAACGAGGCGAATTGAGTAATGCCTTTGATAATCAATT
AAAGAGTAATAAAGGATTTAATGAAGAGGAGGCCCTTAAGGGTATTGCAATTAGGCATGAT
ATGCGCGAGCCTAGACCCAGAACTAGGCCAACC GCGAGACAAGTGGTGAATTTCTTTG
AAAGAACTCTGATGGAGCTGAATCTGAAGCTGAAGATATGGATGCTTACCTTCTGAAA

GTATGAGACATAATACCATGTTGACCAATTATTGTTCTTCCATGCCTATTTCTTGGACAAA
TTCTCTAGTGGAGGGTAGGTGA

>NbS00026087g0010.1

MKSIPTYSNILVWFILLFCFCCSNKSAFAITEFDGTLTSLNLKLLGDAHLGDNNSVQLTRDLA
VPNSGAGKALYSEPVFRQPDLPASFSSTFFSFSVTNLNPSSIGGGLAFVLTNPDESIGDA
GGYIGILDSKGTQSGTISVEFDLMDVEFNINDINGNHVGLDLNSMVSTQVSDLDSIGVDLKSGD
IVNSWIEYSGSTAELNVFVSYSNLKPKPEFLSVVLDIAEYVNDFMFVGFSGSTQGSTIEHSIEW
WSFSSSFEASPKSAAAAAPPPPTASLMNPAADSVTSWPPSMAPSESNSSASIMQDKSNGK
CHNNFCKQPGGAVVGVVTASAFFLAFATLVLIWLYTKKFKKVNSEFLASDVIKMPKEFSYKE
LKLATKAFDLTRIIGHGAFGTVYKILSDNGSIVAVKRCSHSGQGKAEFLSELSIIGTLRHRNLV
RLQGWCHEKGEILLVYDLMPNGSLDKALFESRMILPWLHRRKILLGVASALAYLHQECENQVI
HRDIKSSNIMLDEGTSHLLMTLQDSVSDNLNGMITLSTSSSENSFNAGNGMDLV

>NbS00026087g0010.1 Corrected; GenBank ID: KT225310

MKSIPTYSNILVWFILLFCFCCSNKSAFAITEFDGTLTSLNLKLLGDAHLGDNNSVQLTRDLA
VPNSGAGKALYSEPVFRQPDLPASFSSTFFSFSVTNLNPSSIGGGLAFVLTNPDESIGDA
GGYIGILDSKGTQSGTISVEFDLMDVEFNINDINGNHVGLDLNSMVSTQVSDLDSIGVDLKSGD
IVNSWIEYSGSTAELNVFVSYSNLKPKPEFLSVVLDIAEYVNDFMFVGFSGSTQGSTIEHSIEW
WSFSSSFEASPKSAAAAAPPPPTASLMNPAADSVTSWPPSMAPSESNSSASIMQDKSNGK
CHNNFCKQPGGAVVGVVTASAFFLAFATLVLIWLYTKKFKKVNSEFLASDVIKMPKEFSYKE
LKLATKAFDLTRIIGHGAFGTVYKILSDNGSIVAVKRCSHSGQGKAEFLSELSIIGTLRHRNLV
RLQGWCHEKGEILLVYDLMPNGSLDKALFESRMILPWLHRRKILLGVASALAYLHQECENQVI
HRDIKSSNIMLDEGFNARLGDFGLARQVEHDKSPDATVAAGTMGYLAPEYLLTGRATEKTDV
FSYGAVVLEVASGRRPIERETTRVEKVGVNSNLVEVWVWGLHREGNLLMAADSRLCGEFDE
GEMRRVLMVGLACSQPDPMVRPTMRSVVQMLVGEAEVPIVPRTKPSMSFSTSHLLMTLQD
SVSDNLNGMITLSTSSSENSFNAGNGMDLV

>NbS00026087g0010.1 Corrected; GenBank ID: KT225310

ATGAAGTCAATTCCTACATATAGCAACATTCTTGATGGTTCATACTATTGTTCTGTTTTG
CTGTAGTAATAAGTCAGCATTGCTATCACTGAGTTTGATTTTGGAACATTAACACTGAGT
AATTTGAAGCTTCTTGGAGATGCACATTTGGGTGACAACAACAGTGTTCAGTTAACACGT
GACCTAGCCGTGCCAAATTCGGCGCCCGGAAAAGCTTTATATTCCGAACCAGTAAGATT
CCGGCAGCCGGATCTTGATTTCCGGCGAGTTTCTCTACATTCTTTTCATTTTCAGTGAC
TAATTTGAACCCGTCGCTATTGGTGGTGGTCTTGCTTTTGTACTCACGCCTAATGATGA
GTCAATAGGTGATGCTGGTGGGTATATTGGAATCTTGGATTCTAAAGGCACACAAAAGT
GTACAATTTGAGTTGAATTTGACACCCCTTATGGATGTTGAGTTAATGATATTAATGAAA
TCATGTTGGCTTGGATCTGAATTCATGGTTTCAACTCAAGTTAGTGATTTGATTCTATT
GGTGTGATCTCAAGAGTGGTGACATAGTCAATTCTTGGATTGAATATTCTGGTTCTACT
GCAGAGTTGAATGTGTTTGTATCATACTCTAATTTAAAACCAAAGGAACCATTTTGTCTG
TTGTTTTGGATATTGCTGAATATGTAATGATTTTCATGTTTGTGGGTTTTCTGGTTCAACT
CAAGGGAGTACTGAGATTCATAGTATTGAGTGGTGGAGTTTTAGTTCATCATTTGAAGCA
AGTCCTAAGTCGGCGGCCGAGCTGCGCCACCACCGCCAACGGCTAGTTTAATGAATC
CCGCGGCGGACTCCGTCACGTCGTTGGCCGCTTCTATGGCTCCTCAGAGTCTAATAGT
AGTGCAAGTATAATGCAAGATAAGAGCAATGGGAAATGTCATAACAATTTTTGTAAACAA
GGTCCTGGAGCTGTTGTTGGGGTAGTAAGTACTGCTAGTGCATTTTTCTTGCAATTTGCTACA
TTAGTACTTATTTGTTATACACCAAAAAGTTCAAGAAAGTAAAAAATCTGAATTTTTGG
CATCTGATGTTATCAAAATGCCTAAAGAGTTTAGCTATAAAGAGCTTAAATTGGCTACAAA
AGCCTTTGATTTGACGAGGATTATAGGCCACGGTGCATTTGGGACAGTTTACAAGGGCA
TTTTATCGGACAATGGTAGCATTGTAGCAGTCAAGAGATGTAGTCATAGCGGACAAGGG
AAGGCGGAGTTCTTATCTGAATTATCTATAAATTGGAACACTTAGGCACAGAAATCTTGTTA
GACTTCAAGGTTGGTGCCATGAGAAAGGTGAAATTTGTTAGTCTATGATCTAATGCCTA
ATGGGAGTCTTGATAAGGCATTATTTGAATCAAGAATGATTCTACCTTGGCTACATAGGA
GAAAATTTTGTAGGTGTTGCTTCAGCCTTGGCATATTTACATCAAGAATGTGAAAATCA
GGTGATTCATAGGGATATAAAGAGTAGTAACATTATGTTAGATGAAGGGTTCAATGCAAG
ATTAGGTGATTTTGGATTAGCAAGACAAGTTGAACATGACAAGTCCCCCGATGCAACGGT
AGCAGCCGGGACAATGGGCTACTTGGCTCCTGAATACTTGTAAACCGGAAGAGCAACCG
AAAAACTGATTTTTAGCTATGGAGCAGTTGTTCTTGAAGTGGCAAGTGAAGGAGGC
CAATTGAGAGGGAAACAACAAGAGTTGAGAAAGTTGGAGTGAATAGTAACCTTAGTTGAAT
GGTTTTGGGATTGCATAGAGAAGGGAATTTGCTAATGGCAGCTGATTCAAGACTATGT

GGTGAGTTTGTATGAAGGAGAAATGAGAAGGGTACTAATGGTTGGGTTAGCTTGTTCCACA
ACCTGACCCTATGGTTAGACCAACAATGAGAAGTGTGGTCCAAATGCTAGTAGGTGAAG
CTGAAGTTCCTATTGTCCCAAGAACTAAGCCTTCTATGAGTTTTAGCACATCACATCTTCT
AATGACTTTGCAAGATAGTGTCTGATTTGAATGGTATGATCACACTTTCAACTTCATCA
TCTGAAAACAGCTTCAATAGTGCTGGCAATGGCATGGACTTGGTCTAA

>NbS00026192g0010.1

MKLIPAYSNILVWFILLFCFCSSNKSIFAITEFDFGTLTLSNLKLLGDAHLGDNNSVQLTRDLAV
PNSGSGKALYSKPVRFRQPGLDFPASFTFFSFSVTNLNPSSIGGGGLAFVLPNDESVDAG
GYMGILDSKGTQSGTMSVEFDTLMDVEFKDINGNHVGLDLNSMVSTQVGDLSIGIDLKSGD
IVNSWIEYSGSTAELNVFVSYSNIKPKEPFLSVVLDIAEYVNDFMFVGFSGSTQGSTEIHSEW
WSFSSSFDGSPKSAATAAPPPPTASLMNPTADSVKSRPPSMAPSESNSSASIMQDKSSGKC
HNNFCKQGP GAVVGVVTASAFFLAFATLVLWLITKFKKVKNSEFLASDVIKMPKEFSYKEL
KLATKAFDSTRIIGHGAFGTVYKILPDNGGIVAVKRCSHNGQGKAEFLSELSIIGTLRHRNLV
RLQGWCHEIGEILLVYDLMPNGSLDKALFESRMILPWVHRRKILLGVASALAYLHQECENQVI
HRDIKSSNIMLDEGTSHELLMTLQDSVSDLNGMITLSSSSSENSFTGVANGMDLVSSSLLLRHV
YFMEKTHGPACS

>NbS00026192g0010.1 Corrected; GenBank ID: KT225311

MKLIPAYSNILVWFILLFCFCSSNKSIFAITEFDFGTLTLSNLKLLGDAHLGDNNSVQLTRDLAV
PNSGSGKALYSKPVRFRQPGLDFPASFTFFSFSVTNLNPSSIGGGGLAFVLPNDESVDAG
GYMGILDSKGTQSGTMSVEFDTLMDVEFKDINGNHVGLDLNSMVSTQVGDLSIGIDLKSGD
IVNSWIEYSGSTAELNVFVSYSNIKPKEPFLSVVLDIAEYVNDFMFVGFSGSTQGSTEIHSEW
WSFSSSFDGSPKSAATAAPPPPTASLMNPTADSVKSRPPSMAPSESNSSASIMQDKSSGKC
HNNFCKQGP GAVVGVVTASAFFLAFATLVLWLITKFKKVKNSEFLASDVIKMPKEFSYKEL
KLAPKAFDSTRIIGHGAFGPVSKGILPDNGGIVAVKRCSHNGQGKAEFLSELSIIGTLRHRNLV
RLQGWCHEIGEILLVYDLMPNGSLDKALFESRMILPWVHRRKILLGVASALAYLHQECENQVI
HRDIKSSNIMLDEGFNARLGDGLARQVEHDKSPDVTVAAGTMGYLAPEYLLTGRATEKTDV
FSYGAVVLEVASGRRPIERETTRVEKVGKSNLVEWWGLHREGNLLMAADSRLYDEFDEG
EMRRVLMVGLACSQPDPMVRPTMRSVVQMLVGEAEVPIVPRTKPCMSFSTSHLLMTLQDS
VSDLNGMITLSSSSSENSFTGVANGMDLV

>NbS00026192g0010.1 Corrected; GenBank ID: KT225311

ATGAAGTTAATTCCTGCATATAGCAACATTCTTGATGGTTCATACTATTGTTCTGTTTTG
CAGTAGTAATAAATCAATATTTGCTATAACTGAGTTTGACTTTGGAACATTAECTCTGAGT
AATTTGAGCTTCTTGAGATGCTCATTGGGTGACAACAACAGTGTTCAAGTTAAGCAGT
GATCTTGCCGTGCCAAATCCGGTCCGGAAAAGCTTTATATTCAAAGCCAGTAAGATTC
CGGCAGCCGGTCTTGATTTCCGGCGAGTTTCTCTACATTCTTTTCAATTTTCAAGTGACT
AATTTGAACCCATCATCTATCGGTGGCGGCCTTGCTTTTGTACTCACTCCTAATGATGAG
TCAGTAGGTGATGCTGGTGGGTATATGGGAATCTTGATTCAAAGGCACACAAAGTGG
TACGATGTCAGTTGAATTTGACACCCTTATGGATGTTGAGTTTAAAGATATTAATGGAAAT
CATGTTGGTTTGGATCTGAATTCATGGTTTCAACTCAAGTTGGTGAATTTAGGTTCTATTG
GTATTGATCTCAAGAGTGGTGAATAGTCAATTTCTTGATTGAATATTCTGGTTCTACTGC
AGAGTTGAATGTGTTTGTATCATACTCTAATATAAAACCAAAGGAACCATTTTTGTCTGTT
GTTTTGGATATTGCTGAATATGTAATGATTTTCAATGTTTGGTGGTTTTCTGGTTCAACTC
AAGGGAGTACTGAGATTCATAGTATTGAGTGGTGGAGTTTTAGTTCATCATTGATGGAA
GTCCTAAGTCGGCCGCCACGGCTGCGCCACCACCGCCAACAGCTAGCTTATGATGAACCC
AACGGCAGATTCAGTCAAGTCGCGGCCACCTTCTATGGCTCCTTCAGAATCTAATAGTAG
TGCAAGTATAATGCAAGATAAGAGCAGTGGGAAATGTCATAACAATTTTTGTAAACAAGG
TCCTGGAGCTGTTGTTGGGGTGGTAACTGCTAGTGCATTTTTTTCTTGATTTGCTACATT
AGTACTTATTTGGTTATACACCAAAAAGTTCAAGAAAGTGAAAATTCTGAATTTTTGGCA
TCTGATGTTATCAAATGCCTAAAGAGTTTAGCTATAAAGAGCTTAAATTGGCTCCAAAAG
CTTTTGAATTCGACGAGGATTATAGGCCACGGTGCATTTGGGCCAGTTTCAAAGGGCATT
TACCGGACAATGGTGGCATTGTGGCAGTGAAGAGATGTAGTCATAATGGACAAGGGAAA
GCGGAGTTCTTATCAGAATTATCTATAATTGGAACACTTAGGCACAGAAATCTTGTTAGAC
TTCAAGGATGGTGCATGAGATAGGTGAAATTTTGTAGTCTATGATCTTATGCCTAATG
GGAGTCTTGATAAGGCATTATTTGAATCAAGAATGATTCTACCTTGGGTACATAGGAGGA
AAATTTTGTAGGTGTTGCTTCAGCCTTGGCATATTTACATCAAGAATGTGAAAACCAGG
TGATTCACAGGGATATAAAGAGTAGTAACATTATGTTGGATGAAGGGTTCAATGCAAGAT
TAGGTGATTTGGATTAGCAAGACAAGTTGAACATGACAAGTCCCCCGATGTAACAGTAG

CAGCTGGGACAATGGGCTACTTGGCTCCTGAATACTTGTTAACCGGAAGAGCAACCGAA
AAAACCTGATGTTTTAGCTATGGAGCTGTGGTTCTTGAAGTGGCAAGTGAAGGAGGCC
AATTGAGAGGGGAAACAACAAGAGTTGAGAAAGTTGGAGTGAAGAGTAACCTAGTTGAAT
GGGTTTGGGGATTGCATAGAGAAGGGAATTTGCTAATGGCAGCAGATTCAAGACTTTAT
GATGAGTTTGATGAAGGAGAAATGAGAAGGGTACTAATGGTTGGGTTAGCTTGTTACAA
CCTGACCTATGGTTAGACCAACAATGAGAAGTGTGGTCCAAATGCTAGTAGGTGAAGC
TGAAGTTCCTATTGTCCCAAGAACTAAGCCTTGTATGAGTTTCAGCACATCACATCTTCTA
ATGACTTTGCAAGATAGTGTCTGATTTGAATGGTATGATCACACTTTCCTCTTCATCAT
CTGAAAACAGTTTCACTGGTGTGCCAATGGGATGGACTTGGTCTAA

>NbS00008527g0008.1

MEIYPLLIVFCVLASNGFGVLSTTEFDGILALNSLKLLGDAHMGNNKIKLTRELAVPNSGTGK
VLYSKPVRFRQPGLDFPASFTFFSFSVTNLNPSSIGGGLAFVITPEDDLVGDSGGYL GIMDA
KGTQNGNFAIEFDLMDVEFKDINGNHVGLDLNSMVSTQVGDLD SIGVDLKSGDLVNSWVE
YSGSNKKNIFVSYSNLKPKEPFLSVTIDLSEYVNDFMFVGFCGSTQGSTEIHSIEWWSFSSS
FDVNPKSPAAALPPPPTASLMNPTANSVTSPPPSMAPVQSNGTVNSEQKSSSSKCHNSFC
KQGAGAVVGVVTAGAFFLAFATLVLVWLYSNKFKNVKNSENLGSDIKMPKEFSYKELKIATK
GFDSTRIIGHGAFGTVYKILSETGDIVAMKRDGAFGTVYKILSETGDIVAVKRC SHNGQGK
AEFLSELSIIGTLRHRNLVRLQGWCHEKGEILLVYDLMPNGSLDKALFESRIVLPWLHRRKILL
GVASALAYLHQECENQDSVSDLGMITLSTSSSENSFNCGGVGMDLV

>NbS00008527g0008.1 Corrected; GenBank ID: KT225312

MEIYPLLIVFCVLASNGFGVLSTTEFDGILALNSLKLLGDAHMGNNKIKLTRELAVPNSGTGK
VLYSKPVRFRQPGLDFPASFTFFSFSVTNLNPSSIGGGLAFVITPEDDLVGDSGGYL GIMDA
KGTQNGNFAIEFDLMDVEFKDINGNHVGLDLNSMVSTQVGDLD SIGVDLKSGDLVNSWVE
YSGTKKLNIFVSYSNLKPKEPFLSGTIDLSEYVNDFMFVGFCGSTQGSTEIHSIEWWSFSSS
FDVNPKSPAAALPPPPTASLMNPTANSVTSPPPSMAPVQSNGTVNSEQKSSSSKCHNSFC
KQGAGAVVGVVTAGAFFLAFATLVLVWLYSNKFKNVKNSENLGSDIKMPKEFSYKELKIATK
GFDSTRIIGHGAFGTVYKILSETGDIVAMKRC SHNGQGKAEFLSELSIIGTLRHRNLVRLQGW
W CHEKGEILLVYDLMPNGSLDKALFESRMVLPWLHRRKILLGVASALAYLHQECENQVIHRDI
KTSNIMLDEGFNARLGD FGLAKQIEHDKSPDATVAAGTMGYLAPEYLLTGRASEKTDVFSYG
AVVLEVASGRRPIEKETNGVGKVLNSNLVEVWVGLHKEGRLLAAADSR LNSEFEEQEMR
RVLLVGLACSHDTPMARPTMRGVVQMLVGEAEVPIV PRAKPTMSFSTSHLLMTLQDSVSDL
DGMITLSTSSSENSFNCGGVGMDLV

>NbS00008527g0008.1 Corrected; GenBank ID: KT225312

ATGGAGATTTACCCATTACTTATAGTGTCTGTGCTTGGCTAGTAATGGGTTCCGGTGTA
CTGTCTACTACTGAGTTTGATTTTGGTATTTTAGCTTTGAACAGTTTAAAGCTATTAGGAG
ATGCTCATATGGGTAATAACAAAATCAAATTGACACGTGAGCTCGCCGTTCCAAATTCCG
GTACCGGAAAAGTTTTATATTCTAAACCAGTAAGATTCCGGCAGCCGGGTCTTGATTTTC
CGGCGAGTTTCTCTACGTTTTCTCATTCTGTTACAAATCTGAACCTTCATCGATCGG
CGGTGGTTTAGCTTTTGTATCACGCCGGAAGATGACTTGGTTGGAGACTCCGGTGGTT
ATTTGGGAATTATGGATGCAAAGGGACCCAAAATGGTAATTTTGCTATTGAATTTGATAC
ACTTATGGATGTTGAATTTAAAGATATTAATGGGAATCATGTGGGGTTGGATTTAAATTCA
ATGGTTTCAACGCAAGTTGGTGATCTTGATTCTATTGGTGTGATCTAAAGAGTGGTGAT
TTAGTAAATTCATGGGTTGAATATTCAGGTTTAAACAAAAAGCTGAATATTTTGTTCATA
TTCTAATTTAAAGCCCAAAGAACCATTTTTATCAGGTACTATTGATCTTTCTGAGTACGTA
AATGATTTTATGTTTGTGGGTTTTGTGGTTCAACACAAGGGAGTACTGAGATTCATAGT
ATTGAATGGTGGAGTTT CAGTTCATCATTTGATGTAATCCAAAATCTCCAGCGGCGGCG
CTGCCTCCGCCGCCCCCAACCGCTAGTTTGATGAATCCACGGCGAATTCTGTTACATC
GCCGCCGCTTCGATGGCTCCTGTT CAGTCTAATGGTACTGTGAATTCAGAGCAAAAAA
GTAGTAGTAGCAAATGCCATAACAGTTTTTGTAAACAAGGTGCTGGAGCTGTTGTTGGAG
TTGTA ACTGCTGGCGCATT TTTCTTAGCTTTTGTACATTAGTACTTGT TTTGGTTGATT C
CAACAAATTCAAGAATGTGAAGAATTCTGAAAATTTGGGGTCTGATATAATCAAAATGCCT
AAGGAATTCAGCTATAAGGAGCTCAAATCGCGACGAAAGTTTTGATTCGACGAGGAT
AATCGGGCATGGTGCATTTGGAACAGTTTATAAGGGGATTTTATCTGAGACTGGTGACAT
TG TAGCAATGAAAAGGTGTAGTCATAACGGACAAGGGAAAGCTGAGTTTTTATCTGAATT
ATCAATAATTGGAACACTTAGGCATAGAAATCTTGTTAGACTTCAAGGATGGTGT CATGA
GAAAGGTGAAATTTTGTAGTTTATGATTTGATGCCAAATGGTAGTCTTGATAAGGCATTA
TTTGAGTCAAGAATGGTACTCCCATGGCTACATAGGAGGAAAATTTTGTAGGTGTTGCT

TCAGCCTTAGCATATTTACATCAAGAATGTGAAAATCAAGTTATTCATAGGGATATTAAGA
CTAGTAATATTATGTTGGATGAAGGGTTTAAATGCAAGATTAGGTGATTTTGGATTAGCAAA
ACAAATTGAACATGACAAATCTCCTGATGCAACAGTAGCAGCAGGAACAATGGGATACTT
AGCACCGGAATATTTGTTAACCGGTGAGCAAGTGAAAAACTGATGTTTTAGCTATGG
GGCAGTGGTTCTTGAAGTGGCAAGTGGGAGAAGGCCAATAGAGAAAGAAACAATGGG
GTTGGGAAAGTTGGATTGAATAGTAATTTGGTGAATGGGTGTGGGGATTGCATAAAGA
AGGGAGATTATTAGCAGCAGCTGATTCAAGATTGAATAGTGAGTTTGGAGAACAAAGAAAT
GAGAAGGGTTTTGTTAGTTGGTTTGGCTTGTTACACACTGACCCTATGGCTAGACCAAC
AATGAGAGGTGTTGTTCAATGTTAGTTGGTGAGGCTGAAGTTCCAATTGTTCTAGAGC
TAAGCCAATGAGTTTTAGCACATCTCATCTGCTAATGACATTGCAGGACAGTGTCTTCT
GACTTGGATGGTATGATCACACTTTCAACTTCTTCATCTGAAAATAGCTTCAATTGTGGTG
GTGTGGGTATGGACCTAGTCTAG

> NbS00016101g0013.1

MEIYPLLIVLFCFLASNGFVSVLSTTEFDGFTLALNSLKLGDHMGGNKIKLTRELAVPNSGAG
KVLYSKPVRFRQPGLDFPASFFSFSVTNLNPSSIGGGLAFVITPDDSVGDAGGYLGIMD
AKGTQNGNFAIEFDLMDVEFKDINGNHVGLDLNSMVSTQVGDLDVSVGVDLKSGLVNSWV
EYSGSNKKNIFVSYSNLKPKPFLSVTIDLSEYVNDFMFVGFVCGSTQGSTEIHSEWWSFSS
SFDVNPKSPAAALPPPPTASLMNPTADSVTSLPPSTAPLQSNQTVNSEQKSSSSKCHNSF
CKQGAGAVVGVVTTAGAFFLAFATLVLVWLYSKKFKNVENSENLGSDIIMPKPKEFSYKELKIAT
KGFDSRIIGHGAFGTVYKILSETGDIVAVKRCSHNGQGKAEFLSELSIIGTLRHRNLVRLQG
WCHKEGELLVYDLMPNGSLDKALFESRMVLPWLHRRKILLGVASALAYLHQECENQVMLR
DIKTSNIMLDEGFNARLDSVSDLNGMITLSTSSSENSFNNGGGVGM DLV

>NbS00016101g0013.1 Corrected; GenBank ID: KT225313

MEIYPLLIVLFCFLASNGFVSVLSTTEFDGFTLALNSLKLGDHMGGNKIKLTRELAVPNSGAG
KVLYSKPVRFRQPGLDFPASFFSFSVTNLNPSSIGGGLAFVITPDDSVGDAGGYLGIMD
AKGTQNGNFAIEFDLMDVEFKDINGNHVGLDLNSMVSTQVGDLDVSVGVDLKSGLVNSWV
EYSGSNKKNIFVSYSNLKPKPFLSVTIDLSEYVNDFMFVGFVCGSTQGSTEIHSEWWSFSS
SFDVNPKSPAAALPPPPTASLMNPTADSVTSLPPSTAPLQSNQTVNSEQKSSSSKCHNSF
CKQGAGAVVGVVTTAGAFFLAFATLVLVWLYSKKFKNVENSENLGSDIIMPKPKEFSYKELKIAT
KGFDSRIIGHGAFGTVYKILSETGDIVAVKRCSHNGQGKAEFLSELSIIGTLRHRNLVRLQG
WCHKEGELLVYDLMPNGSLDKALFESRMVLPWLHRRKILLGVASALAYLHQECENQVMLR
DIKTSNIMLDEGFNARLGDVFLAKQIEHDKSPDATVAAGTMGYLAPEYLLTGRASEKTDAFSY
GAVVLEVASGRRPIEKETNGVGVGLNSNLVEVWVWGLHKEGRLLAAADSRLNGEFEEQEM
RRVLLVGLACSHPDPMARPTMRGVVQMLVGEAEVPIVPRAKPTMSFSTSHLLMTLQDSVSD
LNGMITLSTSSSENSFNNGGGVGM DLV

>NbS00016101g0013.1 Corrected; GenBank ID: KT225313

ATGGAGATTTACCCATTACTGATAGTATTATTTGTTTCTTGGCTAGTAATGGGTTTCAGTG
TACTGTCTACTACTGAGTTTGATTTTGGTACTTTAGCTTTGAACAGTTTAAAGCTATTAGG
AGATGCTCATATGGGTGGCAACAAAATCAAATTGACACGTGAGCTCGCCGTGCCAAATT
CCGGTGCCGAAAAGTTTTATATTCTAAACCAGTAAGATTCCGGCAGCCAGGTCTTGATT
TTCCGGCGAGTTTCTCTACGTTTTTCTCATTTTCTGTTACAAATCTGAACCCTTCATCGAT
CGGCGGGGGTTTAGCTTTTGTATCACGCCGGATGATGAATCAGTAGGTGATGCCGGC
GGCTATTTGGGAATTATGGATGCAAAAGGGACCCAAAATGGTAATTTTGCAATTGAATTT
GATACACTTATGGATGTTGAATTTAAAGATATTAATGGGAATCATGTGGGGTTAGATTTAA
ATTCAATGGTTTCAACTCAAGTTGGTATCTTGATTCTGTTGGTGTGATCTCAAGAGTG
GTGATTTGGTAAATTCATGGGTTGAATATTCAGGTTCTAACAAAAGCTGAATATTTTGT
TTCATATTCTAATTTAAAGCCCAAAGAACCATTTTTATCAGTTACTATTGATCTTTCTGAGT
ATGTAATGATTTTATGTTTGTGGGTTTTGTGGTTCAACACAAGGGAGTACTGAGATTC
ATAGTATTGAATGGTGGAGTTTTCAGTTCATCATTGATGTAATCCAAAATCTCCGGCGG
CGGCGCTGCCTCCTCCGCCGCAACGGCTAGTTTGTGATGAATCCACGGCAGATTCTGTT
ACATCGCTGCCGCTTCGACGGCTCCATTGCAGTCTAATGGTACTGTGAATTCAGAGCA
AAAAAGTAGTAGCAAATGCCATAACAGTTTTTGTAAACAAGGTGCTGGGGCTGTTGT
TGGTGTGTAAGTGTGGAGCATTTTTCTAGCTTTTGTACATTAGTACTTGTGGTTG
TATTCGAAAAATTCAAGAATGTGGAGAATTCTGAAAATTTGGGGTCTGATATTATCAAAA
TGCCTAAGGAATTCAGCTATAAGGAGCTTAAATTTGCGACGAAAGGTTTTGATTTCACGA
GGATTATAGGGCATGGTGCATTTGGGACAGTTTATAAGGGGATTTTGTCTGAGACTGGT
GATATTGTAGCAGTGAAAAGGTGTAGTCATAATGGACAAGGTAAAGCTGAGTTTTTATCT

GAATTATCAATAATTGGAACACTTAGGCATAGAAATCTTGTTAGACTTCAAGGATGGTGTC
ATGAGAAAGGTGAAATTTTGTAGTTTATGATTTGATGCCAAATGGTAGTCTTGATAAGGC
ATTATTTGAGTCAAGAATGGTACTCCCATGGCTACATAGGAGGAAAATTTTGTAGGTGT
TGCTTCAGCCTTAGCATATTTACATCAAGAATGTGAAAATCAAGTTATGTTAAGGGATATT
AAGACTAGTAATATTATGTTGGATGAAGGGTTAATGCAAGATTAGGTGATTTTGGGTTA
GCAAACAAATTGAACATGACAAATCTCCTGATGCGACAGTAGCAGCAGGAACAATGGG
ATACTTAGCACCTGAATATTTATTAACCGGTGCGAGCAAGTGAAAAACTGATGCTTTTAC
TATGGCGCAGTGGTTCTTGAAGTGGCAAGTGGGAGAAGGCCAATTGAGAAAGAAACAAA
TGGGGTTGGGAAAGTTGGATTAATAGCAATTTGGTGGAAATGGGTTTGGGGATTACATAA
AGAAGGGAGGTTATTAGCAGCAGCTGATTCAAGATTGAATGGTGAGTTTGGAGAACAAAG
AAATGAGAAGGGTTTTGTAGTTGGTTTGGCTTGTTCACACCCTGACCCTATGGCTAGAC
CAACAATGAGAGGTGTGGTTCAAATGTTAGTTGGTGAGGCTGAAGTTCCAATTGTCCCTA
GAGCTAAGCCAACTATGAGTTTTAGCACATCTCATCTGCTAATGACTTTGCAAGATAGTG
TTTCTGACTTGAATGGTATGATCACACTTCCACGTCTTCATCTGAAAAAGCTTCAATGG
TGGTGGTGGGATGGACCTAGTCTAG

>NbS00034752g0003.1 GenBank ID: KT225314
MNSISLVIIFFLIPFVHSIYFKIPRFGPDVTDILYEGDAVASVGEIEFNKFTYLCRVAHAIYKEKVP
IWDPDSTKLADFFTHFSFTIDTLNRSLYGHGIAFFLAQVGFHIPPNSDGGFLGLFNTTSDSAQ
NQIVVVEFDSFSNPEWDPPEFHVGINKNSIASSVTAPWNTLVILRKWRRRKMKRNPETISLTS
FNDDLEKGTGPKKFSYEELDTSTNHFSEERKLGEGGFGEVYKGYLIDLIAIAVKKISRGSKQ
GKKEYITEVKVISRLRHRNIVQLIGWCHDQEWQCVIHRDIKSSNVMLDSSFNVKLGDFGLAR
LMDHELGPQTTGLAGTLGYLAPEYIKTGRASKESDVYSFGIVAQEIATGRKSVDPGTGKSDA
VLVEYVWELYKGQLLSAVDEKLNLDFAKQVERLMATRLWCAHPESNLRPSIRQAIHVLNFE
ASLPNIPIKMPVPVYDLPSSGEPGVSSGEPTITYTSIDVGR

>NbS00034752g0003.1 GenBank ID: KT225314
ATGAACTCCATTTCCCTCGTTATTATCTTCTTTCTAATTCCGTTTGTACATTCAATCTACTT
TAAATACCACGTTTTGGCCCGGACGTGACTGATATACTCTATGAAGGAGATGCAGTTGC
TTCTGTAGGAGAGATTGAGTTTAAACAATTTACTTATCTTTGTCGAGTTGCACATGCTATC
TATAAAGAGAAAGTACCAATTTGGGATCCTGACTCTACTAACTTGCTGATTTCTTCACAC
ATTTTTCGTTCACTATCGATACTCTAAATCGTTCTTTGTATGGTCATGGCATTGCATTTTTC
CTCGCTCAGGTTGGTTTTCATATCCACCTAACTCAGATGGTGGTTTTCTTGGACTGTTT
AATACTACCACCAGTGATTGAGCTCAAACCAAATTGTTGTTGTTGAGTTTACTCGTTTT
CCAACCCCGAATGGGATCCTCCATTGAAATGTTAGTTTACATAGTGGAAATCCTATCGATGCA
TACTTACAAATTCACGACAAAAAATCTGAGTGTCTTTTGGAACTATGGAAAAGGCTCCAA
TTCCAGCATATCTTATATAATAAACCTTAGAGAGTTTTGCCTTCGTGGATAACGATAGGA
TTCTCTGCTGCAACAGGTACAAATGTTGAACGACATACACATGAATCGTGGGAGTTCAGC
TCGAGTCTTGATATGACAGACTTAGGGGGAAATGGTCGCAGAAAGATTGGATTGATTGC
AGGGTTAACAGCATTAGGGGGAGTTTTATTTGTGGGCGCGATTTAGACTTTAGTAATATT
GAGGAAATGGAGACGACGAAAGATGAAGAGAAATCCAGAGACAATAAGCTTAACATCTT
TCAATGATGATCTTGAAGGGAACAGGACCGAAAAAGTTTTCTTACGAAGAGCTGGATA
CGTCAACAAATCACTTCTCAGAGGAACGAAAGTTGGGCGAAGGAGGATTTGGAGAAGTT
TACAAAGGTTACCTCATAGATCTTGATATTGCGATTGCGGTGAAGAAGATCTCGAGAGGG
TCTAAGCAGGGGAAAAAGGAATACATAACCGAGGTGAAGGTTATAAGTCGGTTAAGACA
TAGAAATATTGTGCAGCTAATTGGTTGGTGTGATGACCAAGGTAAGTTCTTACTTGTTTAC
GAATTCATGCCAAATCGTAGCTTAGATTGTCACCTATTTGGTAAGAGCAATCCTCTTAGTT
GGAGTACGAGGTATAAGATATCGCTCGGATTAGCATCTGCCTTGCTCTATCTACACGAAG
AATGGGAGCAGTGTGTGATCCATAGAGACATCAATCGAGTAATGTAATGCTCGATTCAA
GTTTTAATGTCAAGCTCGGTGATTTTGGCTTAGCTAGACTAATGGACCATGAATTAGGTC
CTCAGACTACAGGGTTGGCTGGAACTTTAGGTTATTTGGCTCCTGAATACATAAAAAACAG
GCCGAGCAAGTAAAGAGTCAGACGTATACAGCTTCGGAATAGTTGCACAAGAAATTGCA
ACCGGAAGAAAATCAGTTGATCCGGGGACGGGGAAATCTGATGCAGTGTTAGTGGAGTA
TGTTTTGGGAGCTTTATAAAGGACAACCTTTCTGCTGTTGATGAGAAATTAACCTGGAT
TTTGACGCGAAACAAGTAGAGCGATTGATGGCTACCAGGTTATGGTGTGCTCATCCGGA
GAGCAATCTGAGGCCATCTATAAGACAAGCAATTCATGTTCTGAATTTGAGGCATCATT
GCCTAATATACCAATTAAGATGCCAGTTCCTGTGTATGATTTACCTAGTTCTGGTGAACCA
GGAGTTAGCTCGGGGGAGCCTACAATTACTTACACGAGCATTGATGTAGGTCGTTAA

>NbS00059538g0001.1

MIRFVSSKINPLSLFITFFLIPFVNSVYFKIPRFGPDVTDILYEGDAVASIGDIEFNKVTYLCRVA
HAIYREKVIWDPDSTKLADFSTHFSFTIDTLNRSLYGHGIAFFLAPVGFRIPPNSDGGFLGLF
NTTSDSAQNQIVVVEFDSFSNPEWDPPEYEHVGINKNSIASSMTAPWNVSLHSGDPIDAWIT
YNSTTKNLSVFWNYGKGSNSSISYVINLKEVLPSWITIGFSAATGTNVERHTLESWEFSSSLDI
TELGNGRRKIGLIAGLTALGGVLFVSTIFALVIFRKWRRQKMKNPETISLTSFNDDLEKGTG
PKKFSYEELDTSTNHFSEERKLGEGGFGEVYKGYLIDLIAVAVKRISRGSKQKKEYITEVK
VISRLRHRNLVQLIGWCHDQKFLVYEFMPNGSLDCHLFGKRNPLSWSTRYKILLGLASALL
YLHEEWEQCVIHRDIKSSNVMLDSSFNVKLGDFGLARLMDHELGPQTTGLAGTLGYLAPEYI
KTGRASKESDVYSFGVVALEIATGRKSVDPGTRKSNVGLVEYVWDLYGKGQLLSAVDEKLN
LVFDAKQVELLMITGLWCAHPESNLRPSIRQAIHVLNFEASLPNIPIKMPVPPVYLLPSSGEPGT
IILKILNLSRELRFIDAA

>NbS00059538g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225315

MIRFVSSKINPLSLFITFFLIPFVNSVYFKIPRFGPDVTDILYEGDAVASIGDIEFNKVTYLCRVA
HAIYREKVIWDPDSTKLADFSTHFSFTIDTLNRSLYGHGIAFFLAPVGFRIPPNSDGGFLGLF
NTTSDSAQNQIVVVEFDSFSNPEWDPPEYEHVGINKNSIASSMTAPWNVSLHSGDPIDAWIT
YNSTTKNLSVFWNYGKGSNSSISYVINLKEVLPSWITIGFSAATGTNVERHTLESWEFSSSLDI
TELGNGRRKIGLIAGLTALGGVLFVSTIFALVIFRKWRRQKMKNPETISLTSFNDDLEKGTG
PKKFSYEELDTSTNHFSEERKLGEGGFGEVYKGYLIDLIAVAVKRISRGSKQKKEYITEVK
VISRLRHRNLVQLIGWCHDQKFLVYEFMPNGSLDCHLFGKRNPLSWSTRYKILLGLASALL
YLHEEWEQCVIHRDIKSSNVMLDSSFNVKLGDFGLARLMDHELGPQTTGLAGTLGYLAPEYI
KTGRASKESDVYSFGVVALEIATGRKSVDPGTRKSNVGLVEYVWDLYGKGQLLSAVDEKLN
LVFDAKQVELLMITGLWCAHPESNLRPSIRQAIHVLNFEASLPNIPIKMPVPPVYLLPSSGEPGV
SSGDPTMTYTSIDVGR

>NbS00059538g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225315

ATGATACGATTTGTGTCTTCTAAAATAAACCTCTTTCCCTCTTTATTACCTTCTTTCTAAT
TCCGTTTGTAATTCAGTCTACTTTAAAATACCACGTTTTGGCCCGGACGTGACTGACAT
ACTCTATGAAGGAGATGCAGTTGCTTCTATAGGAGACATTGAGTTTAAACAAAGTCACTTA
TCTTTGTGCGCTTGCACATGCTATATATAGAGAGAAAGTACCAATTTGGGATCCGGACTC
TACTAACTTGCTGATTTCTCCACACATTTTTCGTTCACTATCGATACCTTAAATCGTTCTT
TGATGGTCATGGCATTGCATTTTTCTCGCTCCGGTTGGTTTTCGTATTCCACCTAACTC
AGATGGTGGTTTTCTGGACTGTTCAATACTACCACAGTGATTGAGCTCAGAACCAAT
TGTTGTTGTTGAGTTTGACTCGTTTTCCAACCCGAATGGGATCCTCCATACGAACATGT
TGGTATAAACAAAATTCTATTGCTTACTATGACAGCTCCATGGAATGTTAGTTTACAT
AGTGGAGTCTTATTGATGCATGGATTACTTACAATTCTACGACAAAAAATCTAAGTGTCT
TTTGGAACTATGGAAAAGGCTCCAATTCCAGCATATCTTATGTAATAAACCTTAAAGAGGT
TTTGCCTTCGTGGATAACGATAGGATTCTCTGCTGCAACAGGTACAAATGTTGAAAGACA
TACACTTGAATCGTGGGAGTTCAGCTCGAGTCTTGATATAACAGAGTTAGGGGGAAATG
GTCGCAGAAAGATTGGATTGATTGCAGGGTTAACAGCATTAGGGGGAGTTTTGTTTGTG
AGCACGATTTTTGCTTTAGTAATATTTAGGAAATGGAGACGACAAAAGATGAAGAAAAAT
CCAGAGACAATTAGCTTAACATCTTTCAATGATGATCTTGAAAAGGGAACAGGACCGAAA
AAGTTTTCTTACGAAGAGCTGGATACTTCAACAATCACTTCTCAGAGGAACGAAAGTTA
GGCGAAGGAGGATTTGGAGAAGTTACAAAGTTACCTCATCGATCTTGATATCGCGGT
TGCTGTCAAGAGGATCTCGAGAGGGTCTAAGCAAGGGAAAAAGGAATACATAACCGAAG
TGAAGGTTATTAGTTCGGTTAAGACATAGAAATCTTGTCAGCTAATTGGTTGGTGTGATG
ACCAAGGTAAGTTCTTACTTGTATATGAATTCATGCCAAATGGTAGCTTAGATTGCCACTT
ATTTGGTAAAAGGAATCCTCTTAGTTGGAGTACGAGGTATAAGATATTACTCGGATTAGC
ATCTGCTTTGCTCTATCTACACGAAGAATGGGAGCAGTGTGTGATCCACAGAGACATCAA
ATCGAGTAATGTAATGCTAGATTCAAGTTTTAATGTCAAGCTCGGTGATTTTGGCTTAGCT
AGACTAATGGACCATGAATTAGGTCCTCAGACTACAGGTTTGGCTGGAACCTTTAGGTTAT
TTGGCTCCTGAATACATAAAAACAGGCGGAGCAAGTAAAGAGTCAGACGTATACAGCTTC
GGAGTAGTTGCACTAGAAATTGCAACCGGAAGAAAATCAGTTGATCCGGGTACGCGGAA
ATCTAATGTAGGGTTAGTGGAGTATGTTTGGGACCTTTATGGTAAAGGACAACCTTCTTTC
TGCTGTTGATGAGAAATTAACCTGGTTTTTGACGCAAAAACAAGTAGAGCTATTGATGATT
ACCGGGTTATGGTGTGCTCATCCGGAGAGCAATCTGAGGCCATCTATAAGACAAGCAAT
TCATGTTCTGAATTTGAAGCATCATTGCCTAATATACCAATAAAGATGCCAGTTCTGTG
TATTATTTACCTAGTTCTGGTGAACCAGGAGTTAGCTCGGGGGATCCTACAATGACTTAC

ACAAGCATTGATGTGGGCCGTTAA

>NbC25369236g0004.1 GenBank ID: KT225316
MEKARGELADFTTHFSFVIDSNGNNSFADGLAFFLAPVGSIIPIGSAGNGLGLAKAELEVAHP
LSHLLSSSIHFSIPGTHCIYMNNITPGKKNDAWISYNASSHTLKVVFTGFSNNKYNKDSL SLLI
DLRNYLPENVTFGFSASTGQLFQKKNVKS WDFNSSLSLEHAEQPSANPPIQVLNPNPDPIT
QVQDPKFRPPREVSTRKKGNKGLVVGSSIGLPILLFVLITASCFLWKKRKRNDKDHV FIDLS
MDNEFQKDRGPKKFSYGELARATNNFAEGQKL GEGGFGEVYEGLLKECKSYVAVKKVSSG
SKQGIKEYASEVKIISRLRHRNLVQLIGWCHEKGLHLVYELMPNGKLR

>NbC25369236g0004.1 GenBank ID: KT225316
ATGGAAAAAGCTAGAGGAGAATTGGCAGATTTACTACACATTTCTCCTTTGTTATTGATT
CAAATGGTAACAATAGCTTTGCTGATGGACTCGCCTTTTTCTTGGCTCCTGTGGGTTCCA
GTATCCCAATTGGTTCAGCTGGCAACGGCCTTGGTCTTGCCAAGGCCGAGTTAGAAGTA
GCTCATCCGCTGAGCCATTTGTTGCTATCGAGTTCGATACATTTCTCAATACCTGGGACC
CACTGTATTTACATGTTGGTATCAATTTAAATTCTATGAAATCTGCGGTTACTCTAAGTAT
GGAGGAATAACATTACACCAGGGAAGAAAAATGATGCTTGGATTAGTTACAATGCTAGTT
CCCATACTCTTAAAGTTGTTTTCACTGGATTTTCAAATAACAAATATAACAAGGACAGCCT
TAGTTTATTGATTGATCTGAGGAATTATTTGCCTGAGAATGTTACTTTTTGGCTTCTCAGCA
TCAACAGGACAATTGTTTCAGAAAAAAAACAATGTCAAGTCTTGGGATTTCAATTCAGTT
TGAGTTTAGAACATGCTGAACAGCCTAGTGCAAACTCCTCCATTCAAGTTCTAAATCCAA
ATGATCCTCCTATTACTCAAGTTCAAGATCCAAAGTTTTCGTCCTCCTCGAGAAGTCAGCA
CCAGGAAAAAAGGAAACAAGGGACTAGTAGTTGGATCAAGCATAGTTTTACCTATTCTGC
TTTTCGTATTGATTACTGCCAGCTGCTTTTTATGGAAGAAAAAGAGGAAAAGGAATGATAA
AGACCATGTTTTTATTGATCTCAGTATGGACAATGAATTTCAGAAGGATAGAGGCCCTAA
GAAGTTTTTCATATGGTGAATTAGCTCGTGCAACGAACAACCTTTGCTGAGGGACAGAAGCT
TGGAGAAGGTGGATTTGGCGAAGTTTATGAAGGTTTATTGAAGGAATGTAATCATATGT
TGCTGTTAAGAAAGTATCAAGCGTTCTAAACAAGGAATAAAGGAGTATGCATCAGAAGT
GAAGATCATAAGCCGATTAAGACATAGAAATTTGGTTCAACTTATTGGTTGGTGTACAGA
GAAAGGGCAGTTGCATCTTGTATGAATTGATGCCTAATGGAAAGCTTAGATAA

>NbS00000562g0002.1 GenBank ID: KT225317
MVF SKILNILLFLILFLIPSFYSLNLFNLSSINPSDANRSINVTGDAYISKQGIQVTPDERNVALGR
KTGRANFIEPLQLWNKATGELSDFTTHFSFVIDSNGNDSFADGLAFFLAPVGSIIPIGSAGNG
LGLAKAELEGSSSPEPFVAIEFDLNTWDPQYLHVGINVNSMESAVAQVWRNDITLGKKN
AWICYDASSHTLKVVFTGFSNNKYNKDSL SLLIDLRLNYPENVTFGFSASTGQLFQKNNVKS
WDFNSSMFDPNKVEHAEPSPANPPITQVTPPSNQEISTRKKGNKGLVVGSSIGLPILVIVLI
TGSCFLWKKKSKRNDKDHV FIDLSMDNEFQKGTGPKKFSYGELARATNNFAEVQKL GEGGF
GEVYEGLLKECKSYVAVKRVSSGSKQGIKEYASEVMIISRLRHRNLVQLIGWCHEKGLHLV
YELMPNGSLDKHLFKEKSLLVWEIRWKIVQGLASALLYLHEEWEQCVVHRDVKASNVM LDS
NFNAKLGD FGLARLVDHEKGSQTTMLAGTVGYMAPECVMNGKASKESDVYSFGIVALEIAS
GRKSIDIKAAEDQVRLVEWIWNLYGIGKLV EATDPRLNKIYNEQQMERLMVLGLWCAHPDNK
LRPSIRQAIHVLNSEVQLPILPSRMPVATYSPPLNMFSPFSHTYETKTVGSEQEQTMTYTY
NTKSSSVYTSSAASSTKSL

>NbS00000562g0002.1 GenBank ID: KT225317
ATGGTTTTTCAGCAAATTTTGAACATCTTGCTATTCTTAATACTTTTTCTTATCCCTTCTTT
CTATTCATTGAACTTTAACTCTCCAGCATCAATCCTTCTGATGCTAATCGTTCTATCAAT
GCTACTGGAGACGCCTATATATCGAAACAAGGCATCCAAGTCACCCCTGATGAACGTAA
CGTGGCATTAGGTAGAAAACTGGTCGAGCTAATTTTATTGAGCCGCTGCAATTATGGAA
TAAGGCTACAGGAGAATTGTCAGATTTTACTACGCATTTCTCCTTTGTTATTGATTCCAAT
GGTAACGATAGCTTTGCTGATGGACTCGCCTTTTTCTTGGCTCCTGTGCGTTCCAGTATC
CCTATTGGTTCAGCTGGTAACGGCCTTGGTCTTGCCAAGGCCGAGTTAGAAGGCAGCTC
ATCCCCTGAGCCATTTGTTGCTATCGAGTTCGATACATTTCTCAATACCTGGGACCCACA
GTATTTACATGTTGGTATCAATGTAATTTCTATGGAATCTGCTGTTGCTCAAGTATGGAGG
AATGACATTACGCTGGGGAAGAAAAATGATGCTTGGATTTGTTACGATGCTAGTTACAT
ACTCTTAAAGTTGTTTTCACTGGATTTTCAAACAATAAATAACAAGGATAGCCTTAGTTT
ATTGATTGATCTGAGGAATTTTCCCGGAGAATGTTACTTTTTGGCTTCTCAGCATCAACT
GGACAATGTTTCAGAAAAACAATGTCAAGTCTTGGGATTTCAATTCAGTATGAGTTTTG

ATCCAAACAAAGTTCCTGAACATGCTGAACCGCCGAGTGCAAATCCTCCTATTACTCAAG
TTACTCCTCCTTCTAACCAAGAAATCAGCACCAGAAAAAAGGAAATAAGGGACTAGTCG
TTGGATCGAGCATAGGTTTGCCTATTCTGGTTATCGTATTGATTACTGGTAGCTGCTTTTT
ATGGAAGAAAAAGAGTAAAGGAATGATAAAGACCATGTTTTTATTGATCTCAGTATGGA
CAATGAATTTCAAAGGGTACTGGCCCTAAGAAGTTTTCTATGGTGAATTAGCTCGTGC
AACGAACAATTTTGTGAGGTACAGAAGCTTGGAGAAGGTGGATTTGGCGAAGTTTATG
AAGTTTTATTGAAGGAATGTAATCATATGTTGCTGTTAAGAGAGTATCAAGCGGTTCTAA
ACAAGGGATAAAGGAGTATGCATCAGAAGTGATGATCATCAGCCGATTAAGACACAGAA
ATTTGGTTCAACTTATCGGTTGGTGCCATGAGAAAGGGAAGCTGCATCTTGTTTATGAAT
TGATGCCTAATGGAAGCTTAGATAAACATCTTTTCAAAGAGAAGTCATTGTTGGTATGGG
AAATCAGGTGGAATAATTGTTCAAGGATTGGCCTCGGCTTTGCTCTATTTACACGAAGAGT
GGGAACAATGTGTAGTCCATAGGGACGTAAGGATATATGGCGCCTGAATGTGTTATGAATGAA
TCAACGCTAAATTAGGCGATTTTGGTTTGGCTAGACTCGTTGATCATGAAAAAGGATCTC
AAACAACAATGCTGGCGGGGACTGTAGGTTATATGGCGCCTGAATGTGTTATGAATGAA
AAAGCTAGTAAGGAATCAGATGTGTACAGTTTTTGGAAATAGTGGCATTGGAATAGCAAGT
GGAAGAAAATCAATAGATATTAAGCAGCAGAAGATCAAGTGAGATTGGTGAATGGATT
TGAAATCTCTACGGAATTGGAAAGCTAGTTGAAGCAACTGATCCAAGATTGAATAAGATA
TATAATGAGCAACAAATGGAGCGTTTAAATGGTTCTCGGTCTCTGGTGTGCTCATCCAGAC
AACAACTCAGGCCATCAATAAGGCAAGCAATCCATGTTCTTAATTCTGAAGTTCAGCTA
CCTATTCTTCCCTCAAGAAATGCCTGTTGCGACGTATTCTCCCCCTCCATTGAATATGTTTT
CGCCTCCATTTTACATACTTATGAACTAAAACAGTGGGGAGTGAGCAGGAACAGACTA
TGACTTACACTTATAACACTAAGTCCTCAAGTGTATACATCCTCAGCTGCTTCGTCAAC
AAAATCACTTTTGTAA

>NbS00048421g0010.1

MVGFASISALKYYLVFLLIIIPFVTSLSFNFDSPNPNGQNVTYEEDAFSANGVIQLTKNQLDRG
SGVSIGRATYFKTLHLWDKALTDIFITHFSFSINSQGRATAYGDGLAFFLAPAGSRIPENTTIGGS
LGLTIDTQQLNNTSNHFVAVFDFTKNWDYDPQGDHVGIDINSMQSVVNLTFSSIPNGNRD
AWISYNSTSKNLTVVFTGFRANSTVTVQQSLSHNLDLREYLPERVTFGFTGATGGLFALQSSIS
SWNFTSSLEINDNITDPGVALPMPKPEETPSKSKLGLVIGLVSGGCVLVAVSVLALFVWRKR
KLREDEDEDDDDSIDGSMADDEFERSTGPKKFLYSELARCTNNFAQEEKLGECCGGVYKGY
LRESNSYVAVKRVSRGSRQGVKEFASEVRIISRLRHRHLVQLIGWCHEKRELLVYEFMPNG
SLDFHLFKGKSHLTPIRYKIAQGLASALLYLHEEWEQCVVHRDIKSSNIMLDSNFNAKLGDF
GLARLVDHEKGSQTTVLADSNCRPSIRQAIHVLNFEAPLPTLPPNMPVPTYCSPSKHLSSASF
SSSYDTNGSRITEIQNSVTRDYTDSSNNTAASATSSPSASLLYSR

>NbS00048421g0010.1 Corrected; GenBank ID: KT225318

MVGFASISALKYYLVFLLIIIPFVTSLSFNFDSPNPNGQNVTYEEDAFSANGVIQLTKNQLDRG
SGVSIGRATYFKTLHLWDKALTDIFITHFSFSINSQGRATAYGDGLAFFLAPAGSRIPENTTIGGS
LGLTIDTQQLNNTSNHFVAVFDFTKNWDYDPQGDHVGIDINSMQSVVNLTFSSIPNGNRD
AWISYNSTSKNLTVVFTGFRANSTVTVQQSLSHNLDLREYLPERVTFGFTGATGGLFALQSSIS
SWNFTSSLEINDNITDPGVALPMPKPEETPSKSKLGLVIGLVSGGCVLVAVSVLALFVWRKR
KLREDEDEDDDDSIDGSMADDEFERSTGPKKFLYSELARCTNNFAQEEKLGECCGGVYKGY
LRESNSYVAVKRVSRGSRQGVKEFASEVRIISRLRHRHLVQLIGWCHEKRELLVYEFMPNG
SLDFHLFKGKSHLTPIRYKIAQGLASALLYLHEEWEQCVVHRDIKSSNIMLDSNFNAKLGDF
GLARLVDHEKGSQTTVLAGTMGYMAPECATTGKASKETDVYSFGIVALEIACGRRPIDRKA
SDRQVNIVEVWWSLYGMGNLNEAADHKLSEFNEMEMKHLIVGLWCAHPDSNCRPSIRQA
IHVLNFEAPLPTLPPNMPVPTYCSPSKHLSSASFSSSYDTNGSRITEIQNSVTRDYTDSSNNT
AASATSSPSASLLYSR

>NbS00048421g0010.1 Corrected; GenBank ID: KT225318

ATGGTTGGTTTTGCCTCTATATCTGCTCTAAAATACTACCTTGTTTTTCTTCTCATCATAAT
CCCATTTGTTACTTCACTATCCTTCAATTTTATGATAGTTTTAATCCCAATGGTCAGAATGTAA
CATATGAGGAAGATGCTTTTTTCAAGCAATGGAGTAATTCAACTCACAAAAACCAGCTTG
ATCGTGGTTCAGGAGTCAGCATAGGTCGAGCCACATATTTCAAGACTGCATCTTTGG
GACAAGGCTTCTGGAATCTCACAGATTTTATTACTCATTCTCCTTTAGCATCAATTCAC
AGGGCAGAACAGCTTATGGTGACGGTCTTGCCTTCTCCTCGCGCCTGCAGGTTCAAGA
ATTCTGAAAACACAACCATAGGTGGCAGCCTTGGCCTTACAATTGATACTCAGCAACTT
AATACATCGAATAATCATTTTGTGAGTGGAGTTTACACCTTTAAGAATTGGTATGATC
CACAGGGTGTATGATGATGATGATCAACTCTATGCAATCTGTTGTTAATTTGACCT

GGTTTAGTAGCATTCCAAATGGTAATAGAACTGACGCCTGGATTAGCTATAACTCAACCT
CGAAAAATCTTACTGTTGTCTTCACTGGTTTTAGAGCTAATTCCACTGTCCTGTCAGCA
AAGCCTATCTCACAATCTTGATCTGAGGGAATATTTGCCAGAACGGGTCACTTTTGGCTT
CACAGGTGCAACAGGAGGTCTCTTTGCGTTACAAAGCATCTCCTCTTGGAAATTTACGTC
TTCTTTAGAAATTAATGACAACATAACAGATCCAGGGGTAGCCTTACCAATGCCAAAGCC
AGAGGAGACTCCAAGCAAAAGTAAGCTAGGACTTGTGATTGGATTAGTATCTGGTGGTT
GTGTTTTGGTTGCAGTATCTGTTTTGGCGTTGTTTGTATTTTGGAGAAAGAGGAAGTTGA
GAGAAGATGAAGATGAAGATGATGATGATAGCATTGATGGTTCATGGCTGATGAATTTG
AAAGAAGTACAGGACCGAAGAAGTTCCTCTACAGTGAGTTGGCTAGATGTACAATAACT
TTGCGCAGGAAGAGAAGCTTGGGGAGGGTGGATTCGGGGGTGTTTATAAAGGATATCTC
AGGGAATCCAATTCCTATGTTGCTGTTAAAAGGGTTTCAAGGGGGTCAAGGCAAGGAGT
AAAAGAGTTCGCATCAGAAGTGAGGATCATTAGCCGGTAAAGACATAGACATTTGGTGCA
ACTCATTGGTTGGTGCCATGAGAAAAGAGAAGTCTACTTGTATGAGTTTATGCCTAAT
GGAAGCTTAGATTTCCATCTTTTCAAAGGAAAAAGCCATTTGACATGGCCAATAAGATAC
AAGATTGCTCAAGGCTTGGCCTCAGCGTTGTTATATCTACACGAAGAATGGGAACAATGT
GTGGTGCATAGGGACATAAAGTCGAGCAATATTATGTTGGATTCCAATTTCAATGCCAAA
CTTGGGGATTTTGGTTTAGCTAGACTAGTTGACCATGAAAAGGGATCCCAAAACAACAGTT
TTGGCAGGTACAATGGGCTACATGGCCCCGAATGTGCTACCACTGGGAAAGCTAGCAA
GGAAACAGATGTCTATAGCTTTGGTATCGTCGCTTAGAAATAGCTTGTGGAAGAAGACC
TATTGACCGTAAAGCTGAATCAGATCGTCAAGTAAACATTGTTGAGTGGGTTTTGGAGCCT
TTATGGGATGGGAAATCTTAACGAAGCAGCTGATCATAAACTCTCACTAGAGTTCAATGA
AATGGAGATGAAGCACTTGTTAATTGTTGGATTATGGTGTGCTCATCCAGATAGCAATTG
TAGGCCTTCTATTAGGCAAGCAATTCATGTCCTTAATTTTGAAGCTCCATTGCCACCCT
CCCTCAAACATGCCTGTTCCAACATATTGCAGTCCATCAAACATTTATCAAGTGCTTCA
TTTTCATCATCATATGACACCAACGGATCTCGGATTACTGAAATACAGAAGTCAAGTACCA
GAGACTACACTGATTCTTCAAATAACACAGCAGCTTCCGCTACATCTTCACCTCAGCAT
CACTTCTATACTCACGTTGA

>NbS00051756g0005.1

MVVFASLSALKYHVFLIIIPFATSLSFNFDSEFRPSDQNIYERDAYPANGAIQLTTDLINRDINA
TIGRATYSKLLHLWDKAVTDFSTHFSFSINSQGRARYGDGLAFFLAPVGSRIPEENTTRGGSLG
LTSNTRRLNTSSNHFAVEFDYQNVQYDPKGDHVGIDINSMQSVNVWTFSSIPSGRRTYA
WISYNSTSKNLTVVFTGFKLQGNNTVTVLQSLSHNLDLREYLPEWVTFGFTGGAGIVFALQSI
YSWNFTSSLEINDNITIPGVVLPSPKPEHAQSKNKLGLVVGLVSGGCVLVFCVLMFAYWR
KRKLREDEDNDIFDGSMTHEFERSTGPKKFLYKELARCTKSFAHEKKLGEFGFVYKGF
RESNSYVAVKRISRESKQGIKEYASEVRIISRLRHRHLVQLIGWCHEKRELLLVYEFMPNGSL
DFHLFKGKIQLTWPIRYKIAQGLASALLYLHEEWEQCVVHRDIKSSNIMLDSNFNAKLDFGL
ARLVDHEKGSQTTVLADSKCRPSIRQAIHVLNFEAPLPTLPPNMPVPTYCSPSQLLPTSSLSS
SYETNGHEIIVAIQIYSVNRDNTDSSNNTTASAASSSSASMLYP

>NbS00051756g0005.1 Corrected; GenBank ID: KT225319

MVVFASLSALKYHVFLIIIPFATSLSFNFDSEFRPSDQNIYERDAYPANGAIQLTTDLINRDINA
TIGRATYSKLLHLWDKAVTDFSTHFSFSINSQGRARYGDGLAFFLAPVGSRIPEENTTRGGSLG
LTSNTRRLNTSSNHFAVEFDYQNVQYDPKGDHVGIDINSMQSVNVWTFSSIPSGRRTYA
WISYNSTSKNLTVVFTGFKLQGNNTVTVLQSLSHNLDLREYLPEWVTFGFTGGAGIVFALQSI
YSWNFTSSLEINDNITIPGVVLPSPKPEHAQSKNKLGLVVGLVSGGCVLVFCVLMFAYWR
KRKLREDEDNDIFDGSMTHEFERSTGPKKFLYKELARCTKSFAHEKKLGEFGFVYKGF
RESNSYVAVKRISRESKQGIKEYASEVRIISRLRHRHLVQLIGWCHEKRELLLVYEFMPNGSL
DFHLFKGKIQLTWPIRYKIAQGLASALLYLHEEWEQCVVHRDIKSSNIMLDSNFNAKLDFGL
ARLVDHEKGSQTTVLADSKCRPSIRQAIHVLNFEAPLPTLPPNMPVPTYCSPSQLLPTSSLSS
SYETNGHEIIVAIQIYSVNRDNTDSSNNTTASAASSSSASMLYPR

>NbS00051756g0005.1 Corrected; GenBank ID: KT225319

ATGGTTGTTTTTGCCTCTTTATCTGCTCTCAAATACCATGTTTTTCTTCTTATCATAATCCC
CTTTGCGACTTCGCTGTCCTTCAATTTTGTAGTATTTAGACCCAGCGATCAAATATAACA
TACGAGAGAGATGCTTATCCAGCAAATGGTGCAATCAACTACCACAGACCTTATCAAT
CGTGATATAAACGCAACTATAGGTGAGCCACATATCCAAGCTTCTGCATCTTTGGGAC
AAGGCCTCAGGAAATGTCACAGATTTCACTACTCACTTCTCCTTTAGCATCAATTCACAA

GGCAGAGCAAGATATGGTGTGGTCTTGCCTTCTTCCTCGCACCTGTAGGTTCAAGAATT
CCTGAGAACACAACCAGAGGTGGCAGTCTTGGCCTTACAAGTAATACTCGACGACTGAA
TACATCGAGCAATCATTTTGTAGCTGTGGAGTTTGTACGTATCAGAACGTCCAGTATGA
CCCAAAGGGTGATCATGTAGGTATTGATATCAACTCTATGCAATCTGTTGTTAATGTGAC
CTGGTTTAGTAGCATTCCGAGTGGTAGGAGAACTTATGCCTGGATTAGCTATAACTCGAC
TTCAAAAATCTTACTGTTGTCTTCACTGGTTTCAAACCTTCAAGGAAATACCACTGTCACG
GTCCTGCAAAGCCTATCTCATAATCTTGATCTGAGAGAATACTTGCCTGAATGGGTCCT
TTTGGCTTACAGGTGGAGCTGGAATTGTCTTTCATTACAAAAGTATCTATTCTTGGAACT
TACTTCTTATTAGAAATTAACGACAACATAACAATTCAGGAGTAGTCTTACCAAGCCC
CAAGCCAGAGCATGCACAGAGTAAAAACAAGTTAGGACTTGTGGTTGGATTGGTTTCTG
GTGGTTGTGTTTTGGTTTTGTATGTGTTTTGATGTTGTTTGCATATTGGAGAAAGAGGAA
GCTGAGAGAAGATGAAGACAATGACATCTTTGATGGATCCATGACTCATGAATTTGAAAG
AAGCACAGGACCAAAGAAGTTCCTTTACAAAGAGTTGGCTAGATGTACAAAAGCTTTGC
GCATGAAAAGAAGCTCGGGGAGGGTGGTTTTGGAGGTGTTTATAAAGGATTTCTCAGGG
AATCCAATTCCTATTGTTGCTGTTAAGAGGATTTCAAGGGAGTCAAAGCAAGGAATAAAG
AGTATGCATCAGAAGTGAGGATCATCAGCCGGCTAAGACATAGACATCTGGTGCAACTC
ATTGGCTGGTGTGCATGAGAAAAGAGAACTACTACTTGTCTATGAGTTTATGCCTAACGGA
AGCCTAGATTTCCATCTTTTCAAGGGAAAAATCCAGTTGACATGGCCAATAAGATAAAG
ATTGCTCAAGGCTTGGCCTCAGCATTGCTATATCTACACGAAGAATGGGAACAATGTGTG
GTGCATAGGGACATAAAGTCAAGCAATATTATGTTGGATTCCAATTTCAATGCAAAACTTG
GGGATTTTGGTTTAGCTAGACTAGTTGACCATGAAAAGGGATCCCAAACAACAGTTTTGG
CAGGTACAAGGGGCTACATGGCCCCGGAATGTTTCATCACTGGCAAAGCGAGCAAGGA
AACAGATGTCTATAGCTTTGGTGTGTCGCGTTAGAAATAGCTTGTGGAAGGAAAGCTAT
TGATCCTAAAGCTGAAGAACATCAAGAAAACCTTGTGATTGGGTTTGGAGCCTTTACGG
GATGGGAAATCTTAATGAAGCAGCTGATCCTAACTCTCATCAGAGTTCAATGAAATGGA
GATGAAGCACTTGTTAATTGTTGGCTTATGGTGTGCTCATCCAGATAGCAAATGCAGGCC
TTCTATTAGGCAAGCAATTCACGTCCTTAATTTGAAGCTCCATTGCCACCCCTCCCTCC
AAACATGCCTGTGCCAACATATTGCAGTCCATCACAACACTACTACCAACTTCTTCATTGTCA
TCATCGTATGAAACCAATGGTCATGAGATCATTGTGCCCCAGATCCAGTATTAGTGAAC
AGAGACAACACTGATTCTTCGAACAACACAACAGCTTCTGCAGCGTCTTCATCTTCAGCT
TCAATGTTGTACCCACGTTGA

>NbS00037263g0008.1

YNSGRNLT CWGSVTAANETLNLTPDQPQNN SNKVGRVLF SQSLPIWPASFSTIFTIRILTNQS
ISGDGMAFLIAQDDKPSPPDSYGSFIGILDPSTQGGALHQLAVEFD TYRNEGEIDGDHFAIVTT
NMESP VAVKSLNAIGIDLKSGRNITIKIDYD GWAKVLDISAAYAGQTPVKFLS QEIIMQETVPQ
NAYVGF SASTAYF SELHQVLNWNFTLYELPERSLKYGPDP EKEKIAL LVAIPVVVSLAVTVS
FLIVARKDRKERLQRKEDIEMLRTRTAANAPQMFTYRRLSNATKNFSKDNLLGTGGFGSVYK
GFSDPPTTIAVKRTNATSNQDGILAEICTIGRLRHKNLVQLHGWCHDREKLLLIYEYMPNGSL
DKYIGKIFLDWDTRFKILSGLASALVYLHEECGNPIVHRDVKPNNVMLDSEYNAHLGDFGLAR
LLQNFENFVTTM VAGTPGYLAPEVSYTGRATPESDVYSFGMVVLEVVCGRRSKGIMEENSLV
ECVWSSYEKGALLECMDQKLDGNFDNAEAMRCLITGLACLHPDSILRPKMRKVQVFMNPD
EPLMKLPESRPSVVCVSWNSCTCSTMTIAEDYAPGGVNMEIIPDEVTVSYEYAYETKK

>NbS00037263g0008.1 Corrected; GenBank ID: KT225320

MLRLLIILVLLNQFVLFVESYNFSFSSFDVGSYNSGRNLT CWGSVTAANETLNLTPDQPQNN
SNKVGRVLF SQSLPIWPASFSTIFTIRILTNQSISGDGMAFLIAQDDKPSPPDSYGSFIGILDPS
TQGGALHQLAVEFD TYRNEGEIDGDHFAIVTTNMESP VAVKSLNAIGIDLKSGRNITIKIDYD
GWAKVLDISAAYAGQTPVKFLS QEIIMQETVPQNA YVGF SASTAYF SELHQVLNWNFTLYELP
E RSLKYGPDP EKEKIAL LVAIPVVVSLAVTVSFLIVARKDRKERLQRKEDIEMLRTRTAANAPQM
FTYRRLSNATKNFSKDNLLGTGGFGSVYKGFSDPPTTIAVKRTNATSNQDGILAEICTIGRL
RHKNLVQLHGWCHDREKLLLIYEYMPNGSLDKYIGKIFLDWDTRFKILSGLASALVYLHEECG
NPIVHRDVKPNNVMLDSEYNAHLGDFGLARLLQNFENFVTTM VAGTPGYLAPEVSYTGRATP
ESDVYSFGMVVLEVVCGRRSKGIMEENSLVECVWSSYEKGALLECMDQKLDGNFDNAEAM
RCLITGLACLHPDSILRPKMRKVQVFMNPD EPLMKLPESRPSVVCVSWNSCTCSTMTIAED
YAPGGVNMEIIPDEVTVSYEYAYETKK

>NbS00037263g0008.1 Corrected; GenBank ID: KT225320

ATGTTAAGGCTTCTAATTATTCTAGTCTTGCTTAATCAATTCTCAGTTCTATTTGTTGAATC
CTACAACTTTTCTTTTCTTCAATTTGATGTTGGTAGTTACAGTAACGGCAGAACTTAACA

TGCTGGGGATCTGTCACCTGCTGCTAATGAAACGCTTAACCTCACACCTGATCAGCCGCA
AAACAATTCTAACAAAGTTGGAAGAGTGTGTTTCAGTCAATCCTTACCTATATGGCCTGCT
TCTTTTTCCACCATATTCACTATAAGGATTTTGACAAATCAATCCATTTCTGGTGATGGAA
TGGCATTCTCATTGCTCAAGACGATAAGCCTTCCCACCGGATAGTTATGGCTCGTTTA
TTGGAATTCTTGATCCATCAACTCAAGGTCAGCTCCTAGTATATAAATTGGACTTAAAGTT
GGTTCTTTTTCAATTCCTGATCCATCACTTCTCAGACTTTCTTTTAAATATGCAGGGGG
CGCGCTTCATCAGCTTGCTGTGGAGTTTGATACATATAGAAATGAAGGCGAAATTGATGG
AGATCATTTTGTATTGTGACTACAAATATGGAGAGTCCTGTGGCTGTTAAAAGCTTAAAT
GCTATTGGGATTGATCTAAAGAGTGGAAAGAAATATCACAATCAAGATTGACTATGATGGA
TGGGCTAAAGTTCTTGATATTTCTGCAGCATATGCAGGACAAACTCCAGTGAATTTCTA
AGCCAAGAAATCATCATGCAAGAAACAGTTCCACAAAATGCTTATGTTGGATTTTCAGCTT
CCACTGCTTATTTCTCAGAGTTACATCAAGTTCTCAACTGGAATTTACATTGTATGAATT
ACCAGAAAGATCTCTAAAGTATGGCCCTGATCCAGAAAAGGAAAAGATAGCTCTACTGCT
TGCTATTCCTGTGGTAGTTGTCTCGTTAGCTGTGACTGTATCGTTTCTCATTGTAGCTCGT
AAGGATAGAAAAGAAAGACTTCAGAGGAAAGAGGACATTGAAATGCTAACAAAGAACTGC
AGCCAATGCTCCTCAAATGTTTACTTACCGGAGACTTTCCAACGCTACTAAAACTTCAG
CAAAGATAACCTATTGGGAACTGGAGGTTTTGGGAGCGTTTACAAAGGAGTGTTCCTGA
TCCTCCAACAACTATAGCTGTTAAACGAACCAACGCAACATCTAATCAAGGTTTGTTC
ATTAAGTTCCCCTAAATATAAGTCGATAGGCACTATTACTAAAATTTCAAATTACCTAGTAA
TATTTATAATTAAGCTGTTATGGTTTTTATACTAGGTGAGACGGAATTTGGCTGAAATAT
GTACAATTGGGCGCCTAAGGCACAAAACCTTAGTGCACTTACATGGTTGGTGCCATGAC
CGCGAGAACTCCTATTAATATATGAGTATATGCCTAATGGAAGTCTTGATAAATACATTG
GCAAAATCTTTCTTGATTGGGATACCAGATTCAAGATTTTATCAGGATTGGCATCAGCACT
AGTGTATCTTCATGAAGAATGTGGAAATCCTATAGTACATCGAGACGTTAAGCCAAACAA
TGTGATGTTAGACTCTGAGTATAATGCTCACTTGGGCGATTTTGGGCTAGCAAGATTACT
CCAAAATGAGAACTTTGTTACAACAATGGTGGCTGGCACTCCAGGATACTTAGCCCCGG
AAGTTAGCTACACGGGGAGGGCTACCCCCGAATCTGATGTCTACAGCTTTGGTATGGTT
GTTTTAGAAGTGGTTTGTGGACGACGATCAAAGGGATCATGGAAGAAAATAGCTTGGT
GGAATGTGATGGAGTTCATATGAGAAAGGTGCATTATTGGAATGTATGGACCAAAAACCT
TGACGGAAATTTTGATAATGCGGAAGCTATGAGGTGTTTGATCACTGGATTAGCATGTTT
ACACCCTGACAGTATTCTCCGGCCTAAAATGAGAAAAGTGGTGAAGTGTTCATGAATCC
TGATGAGCCATTGATGAAATTGCCCGAGTCTCGGCCTAGTGTGTTGTGTGTCATGGAA
TTCTTGACGTGTTCAACGATGACAATAGCAGAAGACTATGCCCTGGTGGCGTTAACAT
GGAGATCATTCCCGATGAGGTGACAGTCTCATATGAATATGCTTATGAAACAAAGAAATA
G

>NbS00001559g0001.1 GenBank ID: KT225321
MLPILFILINLTIFQSISALDFLNSFTTNSTPVLHLIDDARLEPPVIRLTNDSNQFSRGRAFYPSP
PIRSTSNSTSISSSFSTQFIFSILPDDPSSPGFGLAFVLSASTSPPNALSSQYFGLFTNATVHT
VAPLLAVEFDTRNPEFNPDPRNHVGDILNRIESVVTQTAGYYNSGTDSEFVPLNMRSGQNIH
WVIEFNGPEFEIDVTIAPAGMSRPAKTMLSYKSPIIANYSADMVGFSAASKTQWIEAQRLLA
WSFSDSGVARDINTTNLPVFQLENSTSSSLSSGAIAGIVIGCVVAVLGLCLVFFFWWKKRG
KEEEDVIEDWELEYWPHRFSYEELNLATKGFSDKDELLGAGGFVKVYKILSNNTAVKCVN
HDSRQGIREFMAEISTIGRLQHKNLVQMRGWCRKGNELMIVYDYMPNGSLNKWIFDKPEKV
MNWLDRRKVLTDVAEGLNYLHHGWEQVVVHRDIKSSNVLLDCEMRGRLGDFGLAKLYTHG
GVPNTTRVVGTLGYLAPEVVTRATPTAASDVYSFGVVVLEVACGRRPIDAGFMVEEEVLD
WVRQKYREGRLCEAADDRIRGQYSEDEMEAMLKGLTCHPDPLRRPTMREVVAVLLGEN
VEATQNELLAELTPTVSSMKDRSNSASDEGDKYLSESELLSAV

>NbS00001559g0001.1 GenBank ID: KT225321
ATGCTACCAACTGTTTCACTTCTCATCAATCTTACAATTTTCCAATCTATTTCTGCTCTCGA
TTTTCTCTTCAATTCCTTCACTACCAACTCAACCCAGTCCTACACCTCATCGACGATGCT
CGCCTTGAGCCACCAGTGATCCGCCTACCAACGACTCCAACCAATTTTCCCGTGGCCG
TGCTTTTTACCCATCTCCAATTCCTATCAGATCAACTTCCAATTCCTACTTCCATTTCTCCT
CTTTCTCTACCCAATTCATCTTCTCTATTCTCCCCGATGATCCCTCTAGTCCCTGGTTTCGG
CCTTGCTTTTGTCTTTTCAGCTTCCACTTCCCACCCAACGCTCTCTCAAGTCAATACTTT
GGACTTTTCACTAACGCCACCGTTCATACCGTTGCCCACTTCTCGCCGTCGAGTTTGAT
ACGGGTCGTAACCCGGAATTCATGATCCGGATAGAAACCATGTCGGGATTGATCTTAA
CAGAATCGAATCTGTTGTTACTCAAACGGCTGGATATTATAATTCTTCTGGTAATGGTACT
GATTCCTTCGTGCCTCTAAATATGCGAAGTGGTCAAAAATATTTCATGTTTGGATCGAGTTCA

ATGGGCCTGAATTCGAGATTGATGTTACTATAGCTCCAGCTGGTATGTCACGGCCTGCTA
AGACTATGTTAAGTTATAAAAAGCCCCATAATTGCAAATTACACATCTGCTGATATGTTTGT
CGGGTTCTCTGCTTCCAAGACTCAATGGATTGAGGCACAAAGACTTTTTAGCTTGGAGTTT
TAGTGATTCTGGAGTTGCAAGGGATATTAATACTACGAATTTGCCTGTTTTTCAGCTGGA
GAATTCGACGTCTTCTTCGTTATCTTCCGGTGCTATTGCTGGAATTGTAATTGTTGTGTA
GTGGCAGTGTTAGGTTGTTTGTGTGATTTTTATTTTTTTTTGGTGGAAGAAAAGGGGTAAG
GAGGAAGAGGATGTAATTGAAGATTGGGAAGTTGAGTATTGGCCTCATAGATTTTCATAC
GAAGAGCTTAACCTAGCTACAAAAGGGTCTCTAAGGATGAGCTACTTGGGGCTGGTGG
ATTTGGTAAAGTATATAAGGGAATACTATCTAATAACACAGAAGTGGCAGTGAAATGTGT
GAACCATGACTCAAGACAAGGAATAAGAGAATTCATGGCTGAGATATCGACTATCGGAA
GGCTTCAACACAAGAATTTAGTACAAATGAGAGGGTGGTGTAGGAAGGGAAATGAACTT
ATGATTGTGTATGATTATATGCCTAATGGAAGTCTGAATAAATGGATATTTGATAAGCCAG
AGAAGGTTATGAATTGGCTAGACAGGAGGAAGGTCCTAACTGATGTTGCTGAGGGTTTA
AACTATTTACATCATGGTTGGGAACAAGTGGTTGTACATAGGGATATTAATCTAGCAAT
GTCTTGTTAGATTGTGAAATGAGAGGGAGACTGGGAGATTTCCGGCTAGCAAAGTTATA
CACTCACGGTGGTGTACCAAATACAACCTAGGGTAGTAGGTACATTAGGGTACTTGGCAC
CTGAAGTTGTGACAAGGGCTACACCAACTGCAGCTAGTGATGTTTATAGTTTTGGGGTG
GTGGTGTGGAAAGTGGCATGCGGGCGTAGGCCGATTGACGCAGGGTTTATGGTGGAGG
AAGAGGAAGTGTGATTGATTGGGTTAGACAAAAGTACAGGGAAGGGAGATTGTGTGAG
GCAGCAGATGATAGGATTAGGGGGCAGTATTCGGAGGACGAAATGGAAGCTATGTTGAA
ACTAGGCCTAACTTGTGTCACCCGGATCCTCTCCGACGACCTACTATGAGAGAGGTGG
TTGCTGTATTGCTTGGTGAGAATGTGGAGGCAACACAAAATGAACTGCTAGCTGAATTA
CACCCACTGTCAGCAGCATGAAAGATAGAAGCAATAGTGCAAGTGACGAAGGAGATAAA
TACTTGTGCAAGAATCGGAACCTACTATCGGCAGTGTAG

>NbS00015570g0009.1

MSRTVFSEHEFVYNGFNIAASYLSVNGIAEIEKTGALRLTNETSRTVGHAFYKSAIKFNFPN
RKVSSFSTAFAGFVPEYAKLGGHGFIFTISRKDMKGALPSQYLGLLNSSDIGNFSNHLFAV
EFDTVQDFEFGDISDNHVGIDINNLKSNASCCKTIQAWIDYDSNRNVLNVTLSLSSVKPNYSIL
SFPVDLSPILEEFMYVGFSASTGLLASSHYIFGWSFKMNGKAQSLDLDLLPNLPGPKDQTTL
IVATSLSAVVFLAFGVVLALYIIWKIKNMDEIEPWELEIGPHRFSYKELKKATRDFRDKELLGFG
GFRVYKGTLPKTSTEA AVKRINHDAKQGLQEFVSEIATIGRLRHRNLVQLIGWCRRKGDLLL
VYDFMPNGSLDKYIYDEPRIILTWDQRFKIIKGVASGLLYLHEEWEQTVIHRDIKAGNVLLDAE
MNGRLGDFGLAKLYEHGANPSTTRVVGTLGYLAPELTKTGKPTTSSDVFAFGALLLEVACGR
RPIEAKALPEELILVDWVWDKWKEGAILEVDPRLNSKYDEMEAVVVLKGLMCSNNTPSKR
PSMRLVVRYLEGEVALPEMLAAPDEYEGKKGASGMGFEDFEHSYPSSSYFEKVSTWSSV
YDGEDIDIEANAITPLTDSGREDSR

>NbS00015570g0009.1 Corrected; GenBank ID: KT225322

MAKNTSLIFFLVFLILMSRTVFSEHEFVYNGFNIAASYLSVNGIAEIEKTGALRLTNETSRTV
GHAFYKSAIKFNFPNRKVSSFSTAFAGFVPEYAKLGGHGFIFTISRKDMKGALPSQYLGLL
NSSDIGNFSNHLFAVEFDTVQDFEFGDISDNHVGIDINNLKSNASVNASYFSEGNSTKQKFL
QCGKTIQAWIDYDSNRNVLNVTLSLSSVKPNYSILSFPVDLSPILEEFMYVGFSASTGLLASSH
YIFGWSFKMNGKAQSLDLDLLPNLPGPKDQTTLIVATSLSAVVFLAFGVVLALYIIWKIKNMD
EIEPWELEIGPHRFSYKELKKATRDFRDKELLGFGGFRVYKGTLPKTSTEA AVKRINHDAKQ
GLQEFVSEIATIGRLRHRNLVQLIGWCRRKGDLLLVDYDFMPNGSLDKYIYDEPRIILTWDQRF
KIIKGVASGLLYLHEEWEQTVIHRDIKAGNVLLDAEMNGRLGDFGLAKLYEHGANPSTTRVVG
TLGYLAPELTKTGKPTTSSDVFAFGALLLEVACGRRPIEAKALPEELILVDWVWDKWKEGAIL
EVVDPRLNSKYDEMEAVVVLKGLMCSNNTPSKRPSMRLVVRYLEGEVALPEMLAAPDEYE
GKKGASGMGFEDFEHSYPSSSYFEKVSTWSSVYDGEDIDIEANAITPLTDSGREDSR

>NbS00015570g0009.1 Corrected; GenBank ID: KT225322

ATGGCTAAAATACTAGTCTAATATTTTTCTTGGTATTTCTTATTTTGATGTCAAGAACAGT
TTTTCTGAACATGAATTTGTTTACAACGGTTTTAATGGTATTGCAGCAAGTTATTTAAGTG
TAAATGGTATAGCTGAGATTGAAAAAAGTGGTCTAAGGCTAACAAATGAAACATCAA
GAACAGTTGGTCATGCCTTTTACAAAAGTGCATCAAAATCAAGAATTTCCCAAATAGGAA
AGTTTCTTCAATTTCTACTGCTTTTGGTATTGTTCCAGAATATGCTAAATTAGGT
GGCCATGGTTTTGCTTTCACAATTTCAAGGTCTAAGATATGAAAGGTGCTCTTCCTAGT
CAGTATTTAGGTCTTTTAAATTTCTAGTGATATTGGTAATTTTTCAAATCATTTATTTGCTGT
TGAATTTGATACTGTTCAAGATTTTGGTATTGATATTAGTGATAATCATGTTGGTATT

GATATCAATAATTTAAAGTCTAATGCTTCAGTTAATGCTAGCTATTTTTCTGAAGGAAATTC
TACTAAGCAAAGCTTTTTCTTCAGTGTGGTAAGACAATTCAGGCTTGGATTGACTATGAT
TCAAATAGAAATGTAAGTACTGTTACACTCTCACTATCTTCAGTAAAACCAAATTATTCAAT
TTTTGTCAATTTCCAGTTGACCTTTACCAATTCTTGAGGAGTTTATGTATGTTGGATTTCT
GCTTCTACTGGTTTGCTTGCTAGTTCACATTATATATTTGGTTGGAGTTTCAAATGAATG
GAAAAGCTCAATCTTTGGATCTTGATTTATTGCCTAATTTACCTGGACCTAAGAAGGATCA
AACAACTTAATTGTAGCGACGTCATTATCTGCTGTCGTCTTTCTTGCAATTTGGTGTGTT
TTGGCCTTGTACATCAATTTGGAAAATCAAGAACATGGATGAGATTGAGCCTTGGGAAGCTT
GAAATAGGTCACATAGGTTTTCTGATAAGGAGTTAAAGAAAGCTACAAGGGATTTTGA
GATAAGGAGTTACTTGGATTTGGTGGATTTGGTTCGAGTTTATAAAGGAACGTTGCCTAAG
ACTAGTACCGAGGCTGCTGTTAAGCGAATAAATCATGATGCAAACAAGGTCTCCAAGAA
TTTGTGTCTGAAATCGCTACTATTGGTCGCCTTAGACATAGGAATTTGGTTGAGCTTATAG
GGTGGTGTGCGACGAAAAGGTGACTTGTACTTGTATGACTTTATGCCTAATGGAAGCT
TAGACAAGTACATTTATGATGAGCCAAGAATCATTTTAAACGTGGGATCAGCGATTCAAGA
TTATCAAAGGTGTGGCTTCGGGGCTGTTGATTTACATGAAGAATGGGAACAACTGTAA
TCCATAGAGATATCAAAGCAGGGAATGTGTTATTAGATGCGGAAATGAATGGACGACTTG
GAGATTTTGGACTTGCCAAGTTATATGAGCACGGGGCAAATCCTAGCACAAACACGAGTA
GTGGGCACGTTGGGTTACTTAGCTCCAGAATTAACCAAGACTGGAAAGCCTACAACAAG
CTCGGATGTTTTTGCCTTTGGTGCATTGCTGCTAGAAAGTTGCTTGTGGAAGGAGGCCTAT
CGAGGCAAAGCATTGCCCGAGGAGTTAATTTTAGTTGATTGGGTTTGGGATAAATGGAA
GGAAGGTGCCATTCTGAAGTGGTTGATCCGAGGTTAAACAGCAAGTACGATGAGATGG
AGGCTGTGGTGGTGTAAATTAGGACTGATGTGTTCAAATAATACACCATCTAAGAGAC
CTAGCATGAGGTTAGTGGTGAATACTTGGAGGGGGAAGTAGCTCTGCCGGAGATGCT
GGCAGCGCCCGATGAATATGAAGGGAAAAAAGGCGGCGCTAGTGGTATGGGGTTTGGAG
GACTTTGAACATTCATATCCATCCTCGTCTTATTTTGAAGAAAGTAAGTACCTGGTCATCGG
TTTATGATGGTGAAGGAGATATTGACATTGAAGCTAATGCGATAACGCCGTTAACGGATT
CTGGCAGAGAGGACAGCAGATAG

>NbS00002771g0001.1

MAKDRI LIFL VFFILISRKVFS DQEFVYNGFN GIAASYLSVNGIAEIEKT GALRLTNETSRAVGH
AFYKSAIKFKNFPNRKVSS FSTAFAGVPEYAKLGGHGF AFTISRSKDMK GALPSQYLGLLN
SSDIGNFSNHLFAVEFD TVQDFEFGDISDNHVGIDINNLKSNASVNASCFSEGNSTKQKFLQ
CGKTIQAWIDYDSNRNVLNVTLSLSSVKNYSILSFPVDLSPILEEFMYVGFSA STATSLSAVV
FLAFGVILAFYIIWKIKNIDVIEPWELEIGPHRFGYKELKKSTRGFRDRELLGFGGFGRVYKGT
PKTNM VVAVKRINHDAKQGLQEFVSEIATIGRLRHRNLVQLIGWCRQKGDLLL VYDFMPNGS
LDKYIYDEPRVILTWDQRFKI IKGVASGLLYLHEEWEQTVIHRDIKAGNVLLDAEMNGRLGDF
GLAKLYEHGANPSTTRVVGT LGYLAPELTKTKP TSSDVFAFGALLLEVTCGRRIEAKALP
EELILVDWVWDKWKEGAILEVDPKLNGEYDDMEAVVVLKGLMCSNNTPSKRPSMRLVVR
YLEGEMVLPETLAAPDEYDGKKG GASGMGFEDFVHSYPSSSYFEKVSTWSPAYDGE GDIDI
EADPIKPLTDSGREDSR

>NbS00002771g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225323

MAKDRI LIFL VFFILISRKVFS DQEFVYNGFN GIAASYLSVNGIAEIEKT GALRLTNETSRAVGH
AFYKSAIKFKNFPNRKVSS FSTAFAGVPEYAKLGGHGF AFTISRSKDMK GALPSQYLGLLN
SSDIGNFSNHLFAVEFD TVQDFEFGDISDNHVGIDINNLKSNASVNASCFSEGNSTKQKFLQ
CGKTIQAWIDYDSNRNVLNVTLSLSSVKNYSILSFPVDLSPILEEFMYVGFSA TGLLASHY
IFGWSFKMNGKAQSLDLDLLPNLPGPKNQTTLIAATSLSAVVFLAFGVILAFYIIWKIKNIDVIE
PWELEIGPHRFGYKELKKSTRGFRDRELLGFGGFGRVYKGTLPKTNM VVAVKRINHDAKQ
LQEFVSEIATIGRLRHRNLVQLIGWCRQKGDLLL VYDFMPNGSLDKYIYDEPRVILTWDQRFKI
IKGVASGLLYLHEEWEQTVIHRDIKAGNVLLDAEMNGRLGDFGLAKLYEHGANPSTTRVVGT
LGYLAPELTKTKP TSSDVFAFGALLLEVTCGRRIEAKALPEELILVDWVWDKWKEGAILE
VDPKLNGEYDDMEAVVVLKGLMCSNNTPSKRPSMRLVVRYLEGEMVLPETLAAPDEYDG
KKGASGMGFEDFVHSYPSSSYFEKVSTWSPAYDGE GDIDIEADPIKPLTDSGREDSR

>NbS00002771g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225323

ATGGCTAAAGATATTAGACTAATATTTTTCTTGGTATTTTTATTTTGATATCAAGAAAAGT
GTTTTCTGATCAAGAATTTGTTTACAATGGTTTTAATGGTATTGCAGCTAGTTATTTAAGTG
TAAATGGTATAGCTGAGATAGAAAAAAGTGGTCTAAGGCTAACAAATGAAACATCAA
GAGCAGTTGGTCATGCTTTTTACAAAAGTCAATCAAATTCAGAAATTTCCCAAATAGGAA
GTTTTCTTCAATTTCTACTGCTTTTTGCTTTTGGGATTGTTCCAGAATATGCTAAATTAGGT

GGCCATGGTTTTGCTTTCACAATTTCAAGGTCTAAAGATATGAAAGGTGCTCTTCCTAGT
CAGTATTTAGGTCTTTTAAATTTCAAGTGATATTGGTAATTTTTCAAATCATTTATTTGCTGT
AGAATTTGATACTGTTCAAGATTTTGGATTTGGTATATTAGTGATAATCATGTTGGTATT
GATATCAATAATTTAAAGTCTAATGCTTCAGTTAATGCTAGTTGCTTTTTCTGAAGGAAATT
CTACTAAGCAGAAGCTTTTTCTCAGTGTGGCAAGACAATTCAGGCTTGGATTGACTATG
ATTCAAATAGAAATGTAAGTGAATGTTACACTCTCGCTATCTTCAGTAAAACCAAATTTATTC
AATTTTGTCAATTTCCAGTTGACCTTTACCAATTTCTGAGGAGTTTATGTATGTTGGATTTT
CTGCTTCTACTGGTTTGGCTTGTAGTTACATTATATATTTGGTTGGAGTTTCAAATGAA
TGAAAAGCTCAATCTTTGGATCTTGATTTATTGCCTAATTTACCTGGACCTAAGAAGAAT
CAAACAACCTTAATTGCAGCGACGTCTTTATCTGCTGTCGTCTTTCTTGCAATTTGGTGTTA
TTTTGGCGTTTTACATCATTTGGAAAATCAAGAACATAGATGTGATTGAGCCGTGGGAAC
TTGAAATAGGTCCACATAGGTTTGGATACAAGGAGTTAAAGAAATCTACAAGGGGTTTTA
GGGATAGGGAGTTACTTGGATTTGGTGGATTTGGTTCGAGTTTATAAAGGAACGTTGCCTA
AGACTAATATGTTTGTGCTGTTAAGCGAATAAATCATGATGCAAAAACAAGGTCTCCAAG
AATTTGTGCTGAAATCGCCACTATTGGTCGCCTTAGACATAGGAATTTGGTTCAGCTCA
TTGGATGGTGTGACAAAAAGGTGACTTGTTACTTGTATGACTTTATGCCTAATGGAA
GCTTAGACAAGTATATCTATGATGAACCAAGAGTCATTTAACGTGGGATCAGCGATTCA
AGATTATCAAAGGTGTGGCTTCGGGGCTGCTGTATTTACATGAAGAATGGGAACAACT
GTAATCCATAGAGATATCAAAGCAGGGAATGTGTTATTAGATGCAGAAATGAATGGACGA
CTTGGAGATTTTGGACTTGCCAAGTTATATGAACATGGAGCAAATCCTAGCACGACAAGA
GTAGTGGGCACGTTGGGTTACTTGGCTCCTGAATTAACCAAGACCGGAAAGCCTACAAC
AAGCTCGGATGTTTTGCCTTTGGTGCATTGCTGCTAGAAGTTACTTGTGGAAGGAGGC
CAATCGAGGCAAAGCATTACCCGAGGAGTTAATTTTAGTGGATTGGGTTTGGGATAAAT
GGAAGGAAGGTGCCATTCTGAAGTGGTTGATCCGAAACTAATGGTGAAGTACGATGAT
ATGGAGGCTGTGGTGGTCTTAAATTAGGACTAATGTGTTCAATAATACACCATCTAAG
AGACCTAGCATGAGGCTAGTGGTAAGATACTTGAAGGGGAGATGGTGTGCTGCCGAGA
CGTTGCAGCGCCCGATGAATATGATGGGAAAAAGGCGCGCTAGTGGTATGGGATTT
GAGGACTTTGTACATTCATATCCATCCTCGTCTTATTTGAGAAAGTAAGCACGTGGTCA
CCGGCTTATGATGGTGAAGGAGATATTGACATTGAAGCGGATCCGATAAAGCCGTTAAC
GGATTCTGGCAGAGAGGACAGCAGGTAG

>NbS00043874g0006.1 GenBank ID: KT225324
MYVGFSASTGLLASSHYILGWSFKLNGEAKFLDLDLPSLPGVKKKHAGLIIVISNAAAVFALS
SILVAIYLCFRKNADVIEPWELEIGPHRYSYQELKQATRQFKDSELLGRGGFGKVYKILNSI
TQIAVKRISHESKQGWCRRRGDLLLVDYDFMPNGSLDNFLFDQPKMVLWEQRFKIKGVASG
LLYLHEGYEQVVHRDVKASNVLLDGELNGKLGDFGLARLYEHGNSNPCTTRVVGTLGYLAP
ELPRTGRATTSDDVFAFGALLLEVVCRRPIDPKAEPEEFVLVDLVWDKLRGKILEVVDYRL
KGEFNENEVLMMLKLGLMCSNNQPLARPSIRQVVRYLEGEILMPEAPTEQNADDRELFNEN
ERWNSLGSANIIKSSSFTSLNGDEDDNFASFSTSPPLLYSGEAPRY

>NbS00043874g0006.1 GenBank ID: KT225324
ATGTATGTTGGCTTCTCTGCTTCTACTGGTTTGGCTTGGCAGTTACATTACATTTTAGGTT
GGAGTTTAAAGTAAATGGAGAAGCTAAATTTCTTAGACTTGGATTCTTTGCCATCACTTCC
TGGAGTCAAGAAGAAACACGCTGGCCTAATTATAGTCATTTTCAATGCTGCAGCTGTTTT
CGCGTTAAGCTCAATCTTGGTTGCTATTTATTTATTCTGCAGATTCAAGAATGCTGATGTG
ATTGAGCCATGGGAGCTTGGAGATTGGTCTCACAGATATTCATATCAAGAATTAAGCAA
GCTACTAGAGGTTTTAAGGACAGTGAAGTACTCGGACGTGGCGGATTTGGTAAAGTTTA
CAAGGGTATTTTAAATTTCAATAACACAAATTTGCTGTGAAGCGCATTTTCGCATGAATCTAAA
CAAGGTTTGCAGGAATTTGTGCTGAAATTTGATTGGAAGACTCCGTCATAGGAATTTGGT
TCAATTTAGGGTGGTGTAGGCGTCTGGTACTTGTGCTTGTATGATTTTATGCC
TAATGGAAGTTTGGATAATTTCTTGTGTTGATCAGCCGAAAATGGTATTAACCTTGGGAACAA
AGTTCAAGATAATCAAAGGGGTTGCTTCTGGTTTATTGTACTTACATGAAGGCTATGAA
CAAGTTGTGGTACATCGCGATGTTAAGGCTAGTAATGTGCTACTAGATGGGGAATTGAAC
GGCAAGCTTGGGATTTTGGACTTGCAAGATTATATGAGCACGGATCAAATCCCTGCAC
AACTAGAGTGGTAGGTACATTGGGGTACCTTGCAACGAAATTGCCAAGAACAGGACGGG
CCACAACAAGTTCCGATGTGTTTGCCTTTGGTGTCTTGTACTCGAGGTAGTCTGTGGAC
GTAGGCCAATTGATCCCAAGGCAGAACCCGAGGAGTTTGTACTGGTGGACTTGGTGTGG
GATAAATTAAGAGAAGGGAAAATTTCTTGAAGTGGTGGACTATAGATTGAAAGGTGAATTC
AATGAGAATGAGGTTTTGATGTTGTTAAATTTAGGACTAATGTGCTCAAATAACCAGCCAT
TGGCACGACCGAGCATAAGGCAAGTGGTAAGATACTTGAAGGTGAAATTTCTGATGCCT

GAGGCTCCAACAGAGCAAATGCTGATGATCGAGAATTGGAGTTCAACGAAAATGAACG
TTGGAATTCGTTAGGATCAGCTAATATTATCAAGTCAAGTTCATTTACAAGTTTGTCTAAT
GGAGATGAAGATGATAATTTTCTCTTTTTCTACTTCACTTCCACTTCTATATAGTG
GTGAAGCACCTAGATACTGA

>NbS00000505g0005.1

MTQVDYWVMPSSLFHFKNSSNETAFSSTCFafaivPEYPKLRCHGLVFTVSHSKDFSTAL
PSQYLGLLNASDVGGHGLAFTVSHSKDFSTALPSQYLGLLNASDVGNFNSHIFAVEFDTVRD
FEFGDINDNHVGNINSIQSNKSAAYNDELVKQDLNLKSGKVILAWVEYDSVKKLINVTL
PTSLPKIPLFSYHLDLSPILKETTIVGFSASTGLLASSHYIFGWTFKLNGEVKFLDLDLPSLP
GAKKKHTESSQLQLFKNADVIEPWELEIGPHRYSYQELKQATKGFKDESELLGRGGFGKVYN
GILRNSKTQIAVKRRMNLKACRDFVSEIVSIGRLRHRNLVQLLWCRRRGDLLLVDMPN
GSLDSFLDQPKMVLWEQRFKIIGVASALLYLHEGYEQVVHRDVKASNVLLDGELNGKL
GDFGLARLYEHGNSNPCTTRVMGTLGYLAPELPRSRATTSSDVFAFGALLEVVCGRRSIEP
KPLARPSIRQVIRYLEGEILMPEAPTEQNADDGELRFDENERWNSLRSTNIIKSSSFTSLANG
DEDDTFASFSTSPPLLYSGEVRRY

>NbS00000505g0005.1 Corrected; GenBank ID: KT225325

MTQVDYWVMPSSLFHFKNSSNETAFSSTCFafaivPEYPKLRCHGLVFTVSHSKDFSTAL
PSQYLGLLNASDVGNFNSHIFAVEFDTVRDFEFGDINDNHVGNINSIQSNKSAAYNDEL
VKQDLNLKSGKVILAWVEYDSVKKLINVTLSPKPKIPLFSYHLDLSPILKETTIVGFSASTG
LLASSHYIFGWTFKLNGEVKFLDLDLPSLPGAKKKHTESSQLQLFKNADVIEPWELEIGH
RYSYQELKQATKGFKDESELLGRGGFGKVYNGILRNSKTQIAVKRRMNLKACRDFVSEIVSI
GRLRHRNLVQLLWCRRRGDLLLVDMPNGSLDSFLDQPKMVLWEQRFKIIGVASAL
LYLHEGYEQVVHRDVKASNVLLDGELNGKLGDFGLARLYEHGNSNPCTTRVMGTLGYLAPE
LPRSRATTSSDVFAFGALLEVVCGRRSIEPKPLARPSIRQVIRYLEGEILMPEAPTEQNAD
DGELRFDENERWNSLRSTNIIKSSSFTSLANGDEDDTFASFSTSPPLLYSGEVRRY

>NbS00000505g0005.1 Corrected; GenBank ID: KT225325

ATGACACAAGTAGACTATTGGGTCATGCCTTCTTCACTTTTCCACTTCAAGAACTCCAGTA
GTAATGAACTGCCTTCTCTTCTCAACATGTTTTGCTTTCCGCATCGTCCCCGAGTATCC
AAAACCTCAGGTGCCATGGCTTAGTATTCACTGTTTCTCACTCAAAGATTTCACTACAGCT
CTACCAAGTCAGTATTTAGGTCTGCTTAATGCAAGTGATGTTGGTAATTTTCTAACCACA
TTTTTGCTGTTGAATTCGACACGGTACGAGATTTGAGTTCGGAGATATTAATGATAATCA
TGATGATTTAGTGAACAAGATTTGAATCTCAAAGTGAAAGGTTATTCTAGCTTGGGT
AGAATATGATTCAGTCAAAAAATTAATTAATGTTACTCTTTCACCAACTTCTTTAAACCCA
AAATCCTCTTTTTTCTTATCATTTAGACCTCTCTCCAATTCTTAAAGAACTACATATGTT
GGTTTCTGCTTCTACTGGTTTGGTTGCAAGTTCACATTATATTTTGGTTGGACTTTTA
AGTAAATGGAGAAGTAAATTTTACTTGGATTCTTGGCCATCACTTCTGGAGCCAA
GAAGAAACACACTGAATCATCTCAATTGCTGCAGCTGTTTTCCGCATAAGCTTAATCTTG
GTTGCTATTTATTTAATATGGAGATTCAAGAATGCTGATGTGATTGAGCCTTGGGAGCTT
GAGATTGGTCCTCATAGATATTCATACCAAGAACTTAAGCAAGCTACTAAAGGTTTTAAG
GACAGTGAACACTCGGACGTGGCGGATTTGGTAAAGTTTACAATGGTATTTTAAGAAAT
TCAAAAACACAAATTGCAGTGAAGCGTCGCATGAATCTAAAAAAGGCTTGCAGGGATTTT
GTGTCTGAAATTGTCAGCATTGGAAGACTCCGTCATAGGAATTTGGTTCAACTGTTAGGG
TGGTGTAGGCGTCGAGGTGACTTGTACTTGTGTATGATTTTATGCCTAATGGAAGCTTG
GATAGTTTCTTGTGATCAACCCAAAATGGTATTAATTTGGAACAAAGGTTCAAGATAA
TCAAAGGGGTTGCTTCTGCTTTATTGATTTACATGAAGGCTATGAACAAGTTGTGGTAC
ATCGAGACGTTAAGGCTAGTAATGTGCTACTAGATGGGGAAGTGAACGGCAAGCTTGGG
GATTTTGGACTAGCAAGATTATGAGCACGGATCAAATCCGTGCACGACTAGGGTGT
GGCACCTTGGGGTACCTTGCACCAGAATTGCCAAGATCAGGGCGGGCCACAACGAGT
TCTGATGTGTTTGCCTTCCGTGCTTTGTTACTCGAGGTGGTATGTGGACGTAGGTCAATT
GAACCAAGGTAGAATGGAGTTTGTACTAGTGGATTTGGTACGGGACAAATTAAGAGAA
GGGAATGTTGATGATTACTCCTCACCCGGGGTGGGTGAGGCTTGGTAGGGCTATCCGT
ACACGATTTGTGCATTGGTTTGTGTCTCCTTTAGTAGTTATTTATGATAGTTACTGTCTGA
TATATTTGCATGCTATTTTATTTATGGTTCTTTGTTTAGATAATTTTACGTTATTTCTGT
TGGAGTTACTAATGCTCTTTTGTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTCTTTT
CTCCACTGAGCCGAGGGTGCATTGAAACAGCCTCTCTGCCCTTTCGGGTAGGGGTAA

GGCCCGTCTACATATTACCCTCTCAAACCCCTGGGACTATACTGGATAGTTATTGTTGTT
GTTGTTGGAATGTTTCATGATGTGGTGGACTATAGATTGAAAGGTGAGTTC AATGAAAATG
AGTTTTGGTGGTGTAAAATTAGGACTAATGTGCTCAAATAGCCAGCCATTGGCGCGAC
CGAGCATAAGGCAAGTGATAAGATACTTGAAGGTGAAATTCTGATGCCTGAGGCTCCA
ACAGAGCAAATGCTGATGATGGAGAATTGCGGTTGACGAAAATGAACGTTGGAATTC
TTAAGATCAACTAATATTATCAAGTCAAGTTCATTTACAAGTTTGGCTAATGGAGATGAA
GATGATACTTTTTGCTTCTTTTTCTACTTCACCACTTCCACTTCTATATAGTGGTGAAGTAC
GTAGATACTGA

>NbS00056619g0001.1

MGHAFYSSPFQFKNSTTATAFSFSTCFALSIVPEYPKLGGHGLAFTISQSNLSTALPSQYLG
LLNATDVGNFSNHIFAVEFDTVQDFEFRDINDNHVGVNINSLRSNMSVAAAAYFDDDLVKQDL
NLKCGKVLAWVEYDSVKNLVNVTLSKSSKKPKLPLLSYHIDLSPFLKENMYVGFSASTGLLA
SSHYIFGWSFKLNGEAQFLDLDLPLLPGPKKKHTGLILAIISVIFTLISILVGIYLIKKFKNADVI
ESWELEVPHRYSYQELKQATRGFKDSELLGYGGFGKVYKGVSQNSKMQUIAVKRISHESKQ
GLREFVSEISSIGRLRHRNLVQLVGVWCRRRGDLLLLVYDFMPNGSLDNFLFDKPRMVLSWEQ
RFKIKGVASGLLYLHEGYEQVVVHRDVKASNVLDDGELNAKLGDFGLARLYEHGSNPCTTR
VVGTLGYLAPELPRTRATEKSDVFAFGALLLEVVCGRRIPIESKAGPEELVLVDMVWNKMR
EGKILDVIDKRLKGEFNEREVIVLKLGLMCSNNMREGKTLDDVIDKRLKGEFNEREVMVLKL
GLMCSNNEALARPSMRQVMSYLEGEIEMPDPAMPVYNGGFGFDENELHSLASSRGHTY
LANGDVDGTFVSISTAPMSCLFTDEVPR

>NbS00056619g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225326

MFQTPLEMVSLCLLLLCSLISSSIQLDGFTYTRFNQPNMNTLSGVAKISQNGFIQLTNETSRL
MGHAFYSSPFQFKNSATGTAFSSTCFALSIVPEYPKLGGHGLAFTISQSNLSTALPSQYLG
LLNATDVGNFSNHIFAVEFDTVQDFEFGDINDNHVGVNINSLRSDISAAAAAYFDDDLVKQDLN
LKCGKVLAWVEYDSVKNLVNVTLSRSSLKPKLPLLSYHVDLSPFLKGNMYVGFSASTGLLAS
SHYIFGWSFKLNGEAKFLDLDLPLLPGPKKKHTGLILAISTIAVVFTLISILVGIYLIKKFKNADVI
ESWELEVPHRYSYQELKQATRGFKDSELLGFGGGFGKVYKGVLQNSKMEIAVKRISHESKQ
GLREFVSEISSIGRLRHRNLVQLVGVWCRRRGDLLLLVYDFMPNGSLDNFLFDKPRMVLSWEQ
RFKIKGVASGLLYLHEGYEQVVVHRDVKASNVLDDGELNAKLGDFGLARLYEHGSNPCTTR
VVGTLGYLAPELPRTRATEKSDVFAFGALLLEVVCGRRIPIESKAGPEELVLVDMVWNKMR
EGKILDVIDKRLKGEFNEREVIVLKLGLMCSNNEALARPSMRQVMSYLEGEIEMPDPAMP
GVYNGGFGFDENELHSLASSRGHTYLANGDVDGTFVSISTAPMSCLFTDEVPR

>NbS00056619g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225326

ATGTTTCAAACCCATTAGAAATGGTCAGTTTATGTCTTCTACTACTCTGCTCTCTCATT
CCTCCTCTATACAGCTTGATGGCTTTACCTACACAAGATTCAATCAACCAACAATAACAT
GACCTTAAGTGGAGTTGCAAAAATAAGCCAAAATGGATTTATTCAGTTAACCAATGAAAC
AAGTAGACTTATGGGTCATGCTTTCTATTCTTCACCTTTTCAGTTCAAGAACTCAGCTACA
GGCACTGCTTTTTCTTTTTCAACATGTTTTGCTCTTTCTATAGTACCTGAATATCCAAAAC
CGGTGGTCATGGACTTGCTTTTACCATTTCTCAATCCAATGATTTAAGCACAGCTCTACC
AAGTCAGTATTTAGGTTTACTCAATGCTACTGATGTTGGTAATTTCTCTAATCATATATTTG
CTGTTGAATTTGATACAGTACAAGATTTTGGAGATATTAATGATAATCATGTTGG
TGTTAACATTAATAGTTTAAAGGTCTGATATCTCTGCTGCAGCTGCTTATTTTATGATGAT
TTGGTAAAACAAGATCTGAATCTTAAATGTGGTAAGGTAATATTGGCATGGGTAGAATAT
GATTCAGTTAAAAACTTGGTTAATGTTACTCTTTCAAGATCTTCTTAAAACCCAAGTTGC
CACTTTTATCTTATCATGTAGATCTCTCTCATTCTCAAAGGAAATATGTATGTTGGTTTT
TCTGCTTCAACTGGTTTGCTTAGTTCTCATTATATTTTTGGTTGGAGTTTTAAGTTGA
ATGGTGAAGCCAAATTTCTAGACTTGGATTCATTCTTTATTGCCTGGTCCCAAGAAGA
AGCACACTGGCTTAATTTTAGCTATCTCAACTATAGCTGTGTTTTTACATTGATTTCTATC
TTAGTTGGTATTTATTTGATCAAGAAATCAAGAATGCTGATGTTATAGAGTCTTGGGAGC
TTGAGGTTGGTCTCATAGATATTCTTATCAAGAACTTAAGCAAGCTACTAGAGGTTTTAA
GGATAGTGAGCTTCTGGTTTTGGTGGATTTGGTAAAGTGTACAAGGGTGTTTTACAAA
TTCAAAGATGGAATCGCTGTGAAGCGTATTTGCGCATGAATCTAAACAGGGTTTGC CGA
GTTTGTGTCTGAAATTTCTAGCATTGGAAGACTTCGTCATAGGAATTTGGTTCAATTAGTA
GGATGGTGCAGACGTCGTGGTGATTTGTTACTTGTCTATGATTTTATGCCTAATGGGAGC
TTGGACAATTTCTTGTGATAAACCTAGAATGGTATTGTCTTGGGAGCAGAGGTTCAAG
ATCATCAAAGGGGTTGCTTCAGGTTTACTATACTTACATGAAGGTTATGAACAAGTTGTG
GTGCATCGAGACGTTAAGGCTAGTAATGTGTTGCTAGATGGTGAATTAATGCCAAGCTT

GGAGATTTTGGACTAGCAAGATTATATGAGCACGGATCAAACCCGTGCACGACTAGGGT
AGTAGGCACATTGGGGTACCTTGCACCAGAATTGCCAAGAACGGGAAGGGCTACAGAAA
AATCTGATGTCTTTGCCTTTGGTGCATTGTTGCTTGGAGTGGTGTGTGGGCGTAGGCCG
ATTGAGTCAAAGGCAGGGCCCGAGGAGTTAGTCTTAGTGGATATGGTATGGAACAAAAT
GAGAGAAGGGAAAATTCTTGATGTTATCGACAAGAGATTGAAAGGTGAGTTCAATGAACG
TGAAGTTGTGATTGTATTGAAATTGGGACTAATGTGTTCAAACAATGAAGCGTTGGCGCG
GCCTAGCATGAGACAAGTGATGAGTTATTTGGAAGGTGAAATTGAAATGCCAGATGCTC
CAATGGCTCCTGGTGTATAATGGAGGATTTGGATTCGACGAAAATGAACTGCATTCTT
TAGCATCTTCAAGAGGACACACATATTTGGCTAATGGAGATGTAGATGGTACATTTGTTT
CTATTTCTACTGCACCAATGTCATGTTTATTTACTGATGAAGTACCTAGGTAG

>NbS00027351g0001.1

MGHAFHSSPFQFKNSTTGTAFSFSTCFALAIVPEYPELVGHGLAFTISQSNLSTLPLPSQ
YLGLLNATDVGNFNSHFVAVFEDTVQDFEFGNINDNIVGVKINSLRSNMSVAAAYFDDDLVKQ
DLKMS

>NbS00027351g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225327

MVSLCLLLLCSLISPSIQLDGFIHTRFNQPNMNLGVAEINQNGFIQLTNETSRLMGHAFYS
SPFQFKNSTTATAFSFSTCFALSIVPEYPKLGGHGLAFTISQSNLSTALPSQYLGLLNATDV
GNFSNHIFAVEFDTVQDFEFRDINDNHVGVNINSLRSNMSVAAAYFDDDLVKQDLNLKCGKVI
LAWVEYDSVKNLVNVTLSKSSKKPKLPLLSYHIDLSPFLKENMYVGFSASTGLLASSHYIFGW
SFKLNGEAQFLDLDLPLPGPKKHTGLILAIISVIFTLISILVGIYLIKKFKNSDVIESWELEV
GPHRYSYQELKQATRGFKDSELLGYGGFGKVKVGSQNSKMQIAVKRISHESKQGLREFVS
EISSIGRLRHRNLVQLVGWCRRRGDLLLVDYDFMPNGSLDNFLFDKPRMVLWEQRFKIIKGV
ASGLLYLHEGYEQVVHRDVKASNVLLDGELNAKLGDFGLARLYEHGSPCTTRVVGTLY
LAPELPRTRATEKSDVFAFGALLLEVCGRRPIESKAGPEELVLVDMVWNKMREGKILDVID
KRLKGEFNREVVIVLKLGLMCSNNEALARPSMRQVMSYLEGEIEMPAPMAPGVYNGGFG
FDENELHSLASSRGHTYLANGDVGTFVSISTAPMSCLFTDEVPR

>NbS00027351g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225327

ATGGTCAGTTTATGTCTTCTACTACTCTGCTCTCTCATTTCCTTCTATACAGCTTGATG
GCTTCATCCATACAAGATTCAATCAACCAACAACAACATGACCTTAAGTGGAGTTGCAG
AAATAAACCAAAAATGGATTTATTCAATTAACCAATGAAACAAGTAGACTTATGGGTCATGC
TTTCTATTCTTACCTTTTCAGTTCAAGAACTCAACTACAGCCACTGCTTTTTCTTTTTCAA
CATGTTTTGCTCTTTCTATAGTGCCTGAATATCCAAAACCTTGGTGGTCATGGACTTGCTTT
TACTATTTCTCAATCAAATGATTTAAGCACAGCTCTTCTAGTCAGTATTTAGGTTTACTCA
ATGCTACTGATGTTGGTAATTTCTCTAATCATATATTTGCTGTTGAATTTGATACATACAA
GATTTTGAGTTTAGAGATATTAATGATAATCATGTTGGTGTCAACATCAATAGTTTAAGGT
CTAATATGTCTGTTGCAGCTGCTTACTTTGATGATGATTTGGTAAAACAAGATCTGAATCT
TAAATGTGGGAAGGTAATATTGGCATGGGTAGAATATGATTCAGTTAAAACCTTGGTTAAT
GTTACTCTTTCAAATCTTCTAAGAAACCCAAGTTGCCACTTTTATCTTATCATATAGATCT
CTCTCCATTTCTCAAAGAAAATATGTATGTTGGTTTCTCTGCTTCAACTGTTTTGCTTGCT
AGTTCTCATTATTTTTGGTTGGAGTTTTAAGTTGAATGGTGAAGCCCAATTTCTAGACT
TGGATTCACTTCCACTACTACCTGGTCCCAAGAAGAAGCACACTGGCCTAATTTTAGCTA
TCTCAATCATATCTGTTATTTTTACTTTGATTTCTATCTTAGTTGGTATTTATTTGATCAAGA
AATCAAGAATTCTGATGTTATAGAGTCTTGGGAGCTTGAGGTTGGTCCTCATAGATATT
CTTATCAAGAACTTAAGCAAGCTACTAGAGGTTTTAAGGATAGTGAGCTTCTTGGTTATG
GTGGATTTGGTAAAGTTTATAAGGGTGTTCACAAAATTCGAAGATGCAAATCGCTGTGA
AGCGTATTTTCGCATGAATCTAACAGGGTTTGCAGCAATTTGTGTCTGAAATTTCTAGCA
TTGGAAGACTTCGTCATAGGAATTTGGTTCAATTGGTAGGATGGTGTAGACGTCGTGGT
GATTTGTTACTTGTCTATGATTTTATGCCTAATGGGAGTTTAGACAACCTTCTGTTTGATAA
ACCTAGAATGGTATTGTCTTGGGAGCAGAGGTTCAAGATCATCAAAGGGGTCGCTTCGG
GTTTGCTATACTTACATGAAGGTTATGAACAAGTTGTGGTGCATCGAGACGTTAAGGCTA
GTAACGTGTTGCTAGATGGTGAAGTTAAATGCCAAGCTTGGAGATTTTGGACTAGCAAGAT
TATATGAGCACGGATCAAACCCGTGCACGACTAGGGTAGTAGGCACATTGGGGTACCTT
GCACCAGAATTGCCAAGAACGGGAAGGGCTACAGAAAAATCTGATGTCTTTGCCTTTGG
TGCATTGTTGCTTGAAGTGGTGTGTGGGCGTAGGCCGATTGAGTCAAAGGCAGGGCCC
GAGGAGTTAGTCTTAGTGGATATGGTATGGAACAAAATGAGAGAAGGGAAAATTCTTGAT
GTTATCGACAAGAGATTGAAAGGTGAGTTCAATGAACGTGAAGTTGTATTGATTGAAA
TTGGGACTAATGTGTTCAAACAATGAAGCGTTGGCGCGGCCTAGCATGAGACAAGTGAT

GAGTTATTTGGAAGGTGAAATTGAAATGCCAGATGCTCCAATGGCTCCTGGTGTTTATAA
TGGAGGATTTGGATTGACGAAAATGAACTGCATTCTTTAGCATCTTCAAGAGGACACAC
ATATTTGGCTAATGGAGATGTAGATGGTACATTTGTTTCTATTTCTACTGCACCAATGTCA
TGTTTATTTACTGATGAAGTACCTAGGTAG

>NbS00029393g0011.1

MFQTPLEMVSLCLLLLCSLISSSIQLDGFTYTRFNQPNMNTLSGVAKISQNGFIQLTNETSRL
MGHAFYSSPFQFKNSATGTAFSSTCFALSIVPEYPKLGGHGLAFTISQSNLSTALPSQYLG
LLNATDVGNFNSNHIFAVEFDTVQDFEFGDINDNLQDFEFGDINDNHVGNINSLRSDISAAAA
YFDDDLVKQDLNLKCGKVLAWVEYDSVKNLVNVTLSRSSLKPKLPLLSYHVDLSPFLKGNM
YVGFSASTGLLASSHYIFGWSFKLNGEAKFLDLDLPLPGPKKHTGLILAISTIAVVFTLISIL
VGIYLIKFKFNADVIESWELEVGPFRYSYQELKQATRGFKDSELLGFGGFGKVYKGVLQNSK
MEIAVKRISHESKQGLREFVSEISSIGRLRHRNLVQLVGWCRRRGDLLLLVYDFMPNGSLDNF
LFDKPRMVLWEQRFKIIKGVASGLLYLHEGYEQVVVHRDVKASNVLLDGELNAKLGDFGLA
RLYEHGSPNCTTRVVGTLGYLAPELPRTRATEKSDVFAFGALLLEVVCGRRIPIESKAGPEE
LVLVDMVWNKMRGKTLVDIKRLKGEFNEREVVMVLKGLMCSNNEALARPSMRQVMSY
LEGEIEMPAPMAPGVYNGGFGFDENELHSLASSRGHTYLANGDVD

>NbS00029393g0011.1 Corrected; GenBank ID: KT225328

MFQTPLEMVSLCLLLLCSLISSSIQLDGFTYTRFNQPNMNTLSGVAKISQNGFIQLTNETSRL
MGHAFYSSPFQFKNSATGTAFSSTCFALSIVPEYPKLGGHGLAFTISQSNLSTALPSQYLG
LLNATDVGNFNSNHIFAVEFDTVQDFEFGDINDNHVGNINSLRSDISAAAAAYFDDDLVKQDLN
LKCGKVLAWVEYDSVKNLVNVTLSRSSLKPKLPLLSYHVDLSPFLKGNMYVGFSASTGLLAS
SHYIFGWSFKLNGEAKFLDLDLPLPGPKKHTGLILAISTIAVVFTLISILVGIYLIKFKFNADVI
ESWELEVGPFRYSYQELKQATRGFKDSELLGFGGFGKVYKGVLQNSKMEIAVKRISHESKQ
GLREFVSEISSIGRLRHRNLVQLVGWCRRRGDLLLLVYDFMPNGSLDNFLFDKPRMVLWEQ
RFKIIKGVASGLLYLHEGYEQVVVHRDVKASNVLLDGELNAKLGDFGLARLYEHGSPNCTTR
VVGTLGYLAPELPRTRATEKSDVFAFGALLLEVVCGRRIPIESKAGPEELVLVDMVWNKMR
EGKTLVDIKRLKGEFNEREVVMVLKGLMCSNNEALARPSMRQVMSYLEGEIEMPAPMA
PGVYNGGFGFDENELHSLASSRGHTYLANGDVDGTFVSISTAPMSCLFTDEVPR

>NbS00029393g0011.1 Corrected; GenBank ID: KT225328

ATGTTTCAAACCCATTAGAAATGGTCAGTTTATGTCTTCTACTACTCTGCTCTCTCATT
CCTCCTCTATACAGCTTGATGGCTTTACCTACACAAGATTCAATCAACCAACAATAACAT
GACCTTAAGTGGAGTTGCAAAAATAAGCCAAAATGGATTTATTCAGTTAACCAATGAAAC
AAGTAGACTTATGGGTCATGCTTTCTATTCTTACCTTTTTCAGTTCAAGAACTCAGCTACA
GGCACTGCTTTTTCTTTTTCAACATGTTTTGCTCTTTTCTATAGTACCTGAATATCCAAAAC
CGGTGTCATGGACTTGCTTTTACCATTTCTCAATCCAATGATTTAAGCACAGCTCTACC
AAGTCAGTATTTAGGTTTACTCAATGCTACTGATGTTGGTAATTTCTCTAATCATATATTTG
CTGTTGAATTTGATACAGTACAAGATTTTGGATTTGGAGATATTAATGATAATCATGTTGG
TGTTAACATTAATAGTTTAAAGGTCTGATATCTCTGCTGCAGCTGCTTATTTTATGATGAT
TTGGTAAAACAAGATCTGAATCTTAAATGTGGTAAGGTAATATTGGCATGGGTAGAAATAT
GATTCAGTTAAAACCTTGGTTAATGTTACTCTTTCAAGATCTTCTTTAAAACCCAAGTTGC
CACTTTTATCTTATCATGTAGATCTCTCTCCATTTCTCAAAGGAAATATGTATGTTGGTTTT
TCTGCTTCAACTGGTTTGGCTTGTAGTTCTCATTATATTTTTGGTTGGAGTTTTAAGTTGA
ATGGTGAAGCCAAATTTCTAGACTTGGATTCATTCCTTTATTGCCTGGTCCCAAGAAGA
AGCACACTGGCTTAATTTTAGCTATCTCAACTATAGCTGTCGTTTTTACATTGATTTCTATC
TTAGTTGGTATTTATTTGATCAAGAAATCAAGAATGCTGATGTTATAGAGTCTTGGGAGC
TTGAGGTTGGTCTCATAGATATTCTTATCAAGAACTTAAGCAAGCTACTAGAGGTTTTAA
GGATAGTGAGCTTCTGGTTTTGGTGGATTTGGTAAAGTGTACAAGGGTGTTTTACAAAA
TTCAAAGATGGAATCGCTGTGAAGCGTATTTCCGATGAATCTAAACAGGGTTTTGCGCGA
GTTTGTGTCTGAAATTTCTAGCATTGGAAGACTTCGTCATAGGAATTTGGTTCAATTAGTA
GGATGGTGCAGACGTCGTGGTGATTTGTTACTTGTCTATGATTTTATGCCTAATGGGAGC
TTGGACAATTTCTGTTTGATAAACCTAGAATGGTATTGTCTTGGGAGCAGAGGTTCAAG
ATCATCAAAGGGGTTGCTTCAAGTTTACTATACTTACATGAAGGTTATGAACAAGTTGTG
GTGCATCGAGACGTTAAGGCTAGTAATGTGTTGCTAGATGGTGAAGTTAATGCCAAGCTT
GGAGATTTTGGACTAGCAAGATTATATGAGCACGGATCAAACCCGTGCACCACAAGGGT
AGTAGGCACATTGGGTTACCTTGCACCAGAATTGCCAAGAACAGGACGGGCTACAGAAA
AGTCTGATGTCTTTGCCTTTGGGGCATTGTTGCTTGGAGGTGGTTTTGTGGGCGTAGGCCG
ATTGAATCAAAGGCAGGGCCCGAGGAGTTAGTCTTAGTTGATATGGTATGGAACAAAAT

GCGAGAAGGGAAAACCTCTTGATGTTATAGACAAGAGATTGAAAGGCGAGTTCAACGAAC
GTGAGGTTGTGATGGTATTGAAATTGGGGCTGATGTGTTCAAACAACGAAGCGTTGGCG
CGGCCTAGCATGAGACAAGTGATGAGTTATTTGGAAGGTGAAATTGAAATGCCAGATGC
TCCAATGGCTCCTGGTGTTTATAATGGAGGATTTGGATTTCGACGAAAATGAACTGCATTC
TTTAGCATCTTCAAGAGGACACACATATTTGGCTAATGGAGATGTAGATGGTACATTTGTT
TCTATTTCTACTGCACCAATGTCATGTTTATTTACTGATGAAGTACCTAGGTAG

>NbS00003611g0313.1

MQRNTKLKIRKWKRLGSIYLIQVKTVDCLNFSYANFPKQENENDFITTNYSFIGLNAAMQVTGD
ARGTTITNLSGRIWYHQPFKLWNRKKNITASFNSTFVINIAPQSNPWGEGLAFILTKESGLNSI
PDNSDGQWL GIVNASTNGSLSNIFAVEFDTRKSYFEDLDDNHVGDINSIYSINQASLTDRG
VNLSRAIDVIASVQYDGESKILEVYAFMSNQTGGFNARIPVIMPLDLSYLSSEDFVVGFSASTGI
YTQLNCIKAWNFTSIQIGNDNDGSELLWLWILIPISGLVMFLGGVFIYFTWRRKKKRMQVIDQN
EKIEILIRSSATAPQRFQLKDLKRGTFNFDPRNILGRGGCGVVKGLLADKDVAVKRFFKDSS
QGAKDLIAEVTTIGNLHHKNLVKLFGWCYESNELLVYEFMPNGSLDKLIFCEEKGEIREGLS
LSWEKRHVIVCGIAQALDYLNHGCAKRVLHRDIKASNIMLDSELNARLGDFGLARTVQVSGM
THHSTKEIAGTLGYMAPESFLIGRATVETDVFAFGVLILEVVCGRKPGNQNVENIYSNSIIEYV
WDLYKSEKITDAIDVQLDREFDEGQAECVLMGLACCHPNPYERPSMKTALQILTGESVLPTI
PTEKPAFVWPARAPSSNDAAGDSFMEGQLTPITVLSGR

>NbS00003611g0313.1 Corrected; GenBank ID: KT225329
MFYLGKISYLTSLLYLIFFIFTLFLEVFLVIRVDCLNFSYANFPKQENENDFITNYSFIGLNAAMQ
VTGDARGTTITNLSGRIWYHQPFKLWNRKKNITASFNSTFVINIAPQSNPWGEGLAFILTKES
GLNSIPDNSDGQWLGVNASTNGSLSNIFAVEFDTRKSYFEDLDDNHVGDINSIYSINQASL
TDRGVNLSRAIDVIASVQYDGESKILEVYAFMSNQTTGGFNARIPVIMPLDLSYLSSEDFVFGFS
ASTGIYTLNLCIKAWNFTSIQIGNDNDGSLWLVILIPISGLVMFLGGVFIYFTWRRKKKRMQ
VIDQNEKIEILIRSSATAPQRFQLKDLKRGTFNFDPRNILGRGGCGVVFKGLLADKDVAVKRF
FKDSSQGAKDLIAEVTTIGNLHHKNLVKLFWCYESNELLVVYEFMPNGSLDKLIFCEEKGEI
REGLSLSWEKRHVIVCGIAQALDYLHNGCAKRVLHRDIKASNIMLDSELNARLGDFGLARTV
QVSGMTHHSTKEIAGTLGYMAPESFLIGRATVETDVFAGVLELVVCGRKPNGNQNVENIYSN
SIIIEYVWDLYKSEKITDAIDVQLDREFDEGQAECVLMGLACCHPNPYERPSMKTALQILTGE
SVLPTIPTEKPAFVWPAPARAPSSNDAAGDSFMEGQLTPITVLSGR

>NbS00003611g0313.1 Corrected; GenBank ID: KT225329
ATGTTTTATCTAGGCAAGATTAGTTATTTAACCTCCCTTCTTTATCTAATTTTCTTCATATTC
ACACTTTTCTTGGAAGTTTTTTGGTTATTAGGGTGGATTGCCTGAATTTTCAGCTACGCAA
ATTTCCCAAGCAAACGAAAATGATTTTCACTACTAATTATTCTTTTATAGGATTGAAT
GCTGCTATGCAAGTAACAGGCGATGCTCGTGGAACTACTATCACCAACTTATCTGGAAG
AATATGGTATCATCAGCCTTTCAAGTTATGGAATCGAAAGAAGAACATCACAGCATCGTT
TAATTCACGTTTGTGATTAATATCGCTCCTCAGAGTAATCCATGGGGCGAAGGATTAGC
TTTCATATTTGACAAAGGAAAGTGGTCTTAATTTCTATCCAGATAATAGTGATGGACATGG
CTTGAATTTGAAATGCAAGTACAATGGATCTTTTATCAAACAACATCTTTGCAGTTGAAT
TTGACACAAGGAAAAGTTACTTTGAAGACTCTTGATGATAATCATGTTGGCATTGACATAAA
CAGCATCTACTCTATCAACCAAGCTTCTTTAACTGACCGTGGTGTAAATCTTTCACGAGCT
ATTGATGTTATAGCAAGTGTTCAGTATGATGGAGAATCAAAGATCTTGGAGTTTATGCA
TTCATGAGTAATCAGACTGGGGGCTTTAACGCGAGAATTCCCATCATTGTCATGCCTCTT
GATCTTTCCTATCTTCCGAGGATGTTTTCGTGGGATTTTTCAGCTTCAACTGGGATCTATA
CTCAGCTGAACTGCATAAAAGCATGGAATTTTACAAGCATACAAATTGGAAATGATAATG
ATGGTAGCCTATTATGGTTGTGGATCTTGATACCAATCATATCGGGTCTGGTTATGTTTCT
TGCGGGGTTTTTATATTTTACCTGGAGGAGGAAAAGAAGAGGATGCAAGTGATAG
ATCAAATGAGAAAATAGAGATACTGATTCGGAGTTCAGCTACTGCACCACAGAGATTCC
AGCTTAAGGACTTGAAACGAGGGACCGGGAACCTTTGATCCCAGGAACATTCTTGAAGA
GGAGGATGTGGAGTAGTGTCAAAGGGTTGTTAGCTGATAAAGATGTAGCTGTGAAGAG
ATTCTTTAAAGATTCAAGTCAAGGGGCAAAAGATCTCATAGCAGAAGTCACAACCATTGG
CAATCTCCACCACAAAACCTTGTCAAAGTGTGGATGGTGTATGAAAGCAATGAACT
ACTTGTGGTGTATGAGTTCATGCCAAATGGGAGCTTAGACAAGTTGATATTTTGTGAAGA
AAAAGGTGAAATCAGAGAAGGGTTGAGCCTGAGTTGGGAAAAAAGGCATGTCATTGTCT
GTGGCATAGCTCAAGCACTGGATTATCTGCATAATGGGTGCGCGAAAAGAGTACTGCAT
AGGGACATAAAAGCCAGCAACATCATGCTTGACTCAGAACTCAATGCTCGGTTGGGAGA
TTTTGGATTGGCTAGGACAGTTCAAGTGAGTGGAAATGACTCACCATTCCAGCAAAGAGAT
AGCTGGAACCTTTGGCTATATGGCTCCAGAAAGTTTCTTATAGGCCGAGCTACAGTTGA
GACAGATGTGTTTGCATTTGGAGTGTCTATTCTTGAAGTTGTCTGTGGTCCGAAAACCTGG
AAACCAAAATGTGGAGAATATCTACAGCAACAGTATCATTGAATATGTGTGGGATCTCTA
TAAGAGTGAAAAGATCACTGATGCCATAGACGTTCAATTGGATAGAGAATTTGATGAAGG
GCAAGCTGAATGTGTTTTAATGTTAGGATTGGCTTGTGCCATCCGAATCCATATGAAAG
GCCAAGCATGAAAACCTGCTTTACAGATTCTAACAGGGGAATCAGTTTTTACCAACTATTCC
TACTGAGAAACCTGCATTTGTGTGGCCAGCTAGAGCTCCATCGTCGAATGACGCTGCAG
GTGACTCTTTCATGGAAGGCCAACTTACACCAATTACAGTTCTCAGTGGCAGATGA

>NbS00005288g0011.1
MRVDCLNFSYANFPKQNKHDFITNYSFIGLNAAMQVTGDARGTTITNLPGRWYRQPFKLW
NRKKNITASFNSNPWGEGLAFILTEKSLHSIPDKSNGQWLGVNASTNGSLSNIFAVEFD
RKSIFEDLDDNHVGDINSIYSINQASLTNRGVNLSRAIDVIARVQYDGDGSKILNVYAFMSNQI
GGFNASNPIISMPLDLSYLPEDVFGFSASTGIYTLNLCIKAWNFTSTEIGNDNDTNNICSGY
VSWWGFYIFHLEEEKEEDATTAPQRFQLKDLKRGTFNFDPRNILGRGGCGVVFKGLLADKEVAV
KRFFRDSSQGAKDLIAEVTTIGNLHHKNLVKLLGWCYESKELLVVYEFKPNGSLDKLIFCEEK
GEIRGVEPEL GKKTVLHRDIKASNIMLDSELNARLGDFGLARTVQVSGMTHHSKKEIAGTLGY
MAPESFLIGRATVETDVFAGVLELVVACGQKPGNQNEENIYSNRHIEYVWDLYKSERIIGAI
DLDRDFDEGQAECV

>NbS00005288g0011.1 Corrected; GenBank ID: KT225330
MFYLIFIFTLFLEGFIVMRVDCLNFSYANFPKQNKHDFITTNYSFIGLNAAMQVTGDARGTTIT
NLPGRIWYRQPFKLNWRKKNITASFNSNPWGEGLAFILTEKSLHSIPDKSNGQWLGVNAS
TNGSLSNIFAVEFDTRKSYFEDLDDNHVGDINSIYSINQASLTNRGVNLSRAIDVIARVQYD
GDSKILNVYAFMSNQIGGFNASNPIISMPDLSPEDVVFVGFSASTGIYQLNCIKAWNFTST
EIGNDNDTNNICSGYVSWWGFYIFHLEEEKEEDATTAPQRFQLKDLKRGSGNFDPRNILGR
GGCGVVKGLLADKEVAVKRFFRDSSQGAKDLIAEVTIGNLHKNLVKLLGWCYESKELLV
VYEFKPNGSLDKLIFCEEKGEIRGVEPELGKKTVLHRDIKASNIMLDSELNARLGDFGLARTV
QVSGMTHHSKKEIAGTLGYMAPESFLIGRATVETDVFAFGVLILEVACGQKPGNQNEENIYS
NRIIEYVWDLKSERIIGRIDVRLDRDFDEGQAEVC

>NbS00005288g0011.1 Corrected; GenBank ID: KT225330
ATGTTTTATCTAATTTTCTTCATATTCACACTTTTCTTAGAAGGTTTTATTGTTATGAGGGT
GGATTGCCTGAATTTACAGCTACGCAAATTTCCCAAGCAAAATAACATGATTTTCATCACT
ACTAATTATTCCTTCATAGGATTGAACGCTGCTATGCAAGTAACAGGCGATGCTCGTGGA
ACTACTATCACAACTTACCTGGAAGAATATGGTATCGTCAGCCTTTCAAGTTATGGAATC
GAAAGAAGAACATCACAGCATCGTTAACGTTTGTGATTAATATCACTCCTCAGAGTAATC
CGTGGGGAGAAGGATTAGCTTTTCATATTGACAGAGAAAAGTGGTCTTCATTCCATCCCAG
ATAAAAGTAATGGACAATGGCTTGAATTGTGAATGCAAGTACAAATGGATCTTTATCAA
CAACATTTTTGCAGTTGAATTTGACACAAGGAAAAGTTACTTTGAAGATCTTGATGATAAT
CATGTTGGCATTGACATAAACAGCATCTATTCTATCAATCAAGCTTCTTTAACTAACCGTG
GTGTTAATCTTTCACGAGCTATTGATGTTATAGCAAGAGTTCAGTATGATGGAGACTCAA
AGATCTTGAATGTTTATGCATTCATGAGTAATCAGATCGGGGGCTTTAACGCGAGTAATC
CCATCATTTCCATGCCTCTTGATCTTCTATCTTCCCAGAGGATGTTTTCTGTTGGATTTTC
AGCTTCAACTGGGATATATACTCAGCTGAACTGCATAAAGGCATGGAATTTTACAAGCAC
AGAAATTGGTAATGATAATGATGATACCAATAATATCTGTTCTGGTTATGTTTCTTGGTGG
GGTTTCTATATCTTTCACCTGGAGGAGGAAAAGAAGAGGATGCAAGTGATAGATCAAAA
TGAGAAAATAGAGATACTGATTCGGAGTTCAGCTACTGCACCACAGAGATTCCAGCTAAA
GGACTTGAAACGAGGGAGCGGGAACCTTTGATCCAGAAACATTCTTGAAGAGGAGGG
TGTGGAGTAGTGTTCAAAGGGTGTGTTAGCTGATAAAGAGGTAGCTGTGAAGAGATTCTT
AGAGACTCAAGTCAAGGGGCAAAAGATCTCATAGCAGAAGTCACGACCATTGGCAATCT
CCACCACAAAACCTTGTCAAATGTTAGGATGGTGCTATGAAAGCAAAGAACTCCTTGT
GGTGTATGAGTTCAAGCCAAATGGAAGCTTAGACAAGTTGATATTTGTGAAGAAAAGG
CGAAATCAGAGGGGTTGAGCCTGAGTTGGGAAAAAAGACGTCATTGTCTGTGGCATAGC
TCAAGCACTGGATTATCTGCATAATGGGTGCGCGAAAAGAGTACTTCATAGGGACATAAA
AGCCAGCAATATCATGCTTGACTCAGAACTCAATTCGAGTTGGGAGATTTTGGATTGGC
TAGGCTATATGGCTCCAGAGAGTTTTCTTATAGGCCGAGCCACTGTTGAGACAGATGTG
TTTGCATTTGGAGTGCTCATTCTTGAAGTTGCCTGTGGTCAAAAACCTGGAAACCAAAT
GAGGAGAACATCTACAGCAACAGAATCATTGAATATGTGTGGGATCTCTATAAGAGTGAA
AGGATCATTGGTGCCATAGATGTTTCGATTGGATAGAGATTTTGTGAAGGGCAAGCTGAA
TGTGTGTAA

>NbS00007832g0008.1 GenBank ID: KT225331
MRLLTPKLNTIFIFFCCLHSISQAKLKKFEKQYGNFDHTYIPFLEIKEPAQISNQALQVTPDTAN
SHYNMFNNSGRILLKQSFKLWEGDTSSKDSRVASFNSSFLVNIYRLDNKTAEEGLTFLITPDL
DLPPNSQGGYLGLTNATTDGKFINRILAVELDTFQQDFDIDDNHIGIDIHSIKSIRSESLAKHGIE
LAPIGARFYNIWVQYDGIKKVLDVYIAEQDEKNGATPPRPKDPILSHDLDRDFVNQESYFGF
SASTGNFNQLNCVLRWNFTVEYFQEKQSLTLGLGVGVPLFVLFLLLVVYLYGYCYKKRVAR
SESNIVGALKSLPGMPRDFEFKVLKNATDNFDEKKNLGEFFGVVYKGYLVGENLEIAVKWF
SRESMKGQDDFLAELTIINRLRHKHLVLLGWSHKHGKLLVFEYMPNGSLDKHLFSGPDKK
PLSWQVRYKIVSGVASALHYLHDEFEQKVVRDLKASNIMLDTNFNARLGDFGLARALDHEK
TSYAESEGLTGMGYIAPECFHTGKATQHSVDYAFGAVLLELVCGQRPQTKVNGFQLFADW
VWYLHRDGRILETVDTSLGDDYVAEEAKRLLLLALACSHPIASERPQTIVQIISGSPAPEV
PPFKPAFVWPSMVPMETDIDSSLVDTISITTPQFSSGNNNSVEYRSK

>NbS00007832g0008.1 GenBank ID: KT225331
ATGAGATTATTGACACCAAACCTCAACACCATCTTTCATCTTTTTCTGTTGTCTTCATTCCAT
ATCTCAAGCCAAGCTGAAAAAATTCGAAAAACAATATGGAAATTTTGACCATACATATATT
CCATTCTTGAAATTAAGAACCAGCACAAATCAGCAACCAAGCTTTACAAGTAACTCCT

GATACAGCCAACCTCTCATTACAACATGTTTAATAATTCAGGTAGAATTCTCTTGAAACAAT
CCTTCAAATTATGGGAAGGTGACACGTCATCAAAAGATAGTAGAGTTGCATCTTTCAACT
CTTCATTTCTTGTGAATATTTACAGGCTAGATAATAAACTGCAGCTGAAGGTTTAACTTT
CTTGATTACTCCTGATTTGGATTTGCCACCAATAGCCAAGGGCAGTATTTAGGGTTGAC
AAATGCTACTACTGATGGGAAATTTATTAACAGAATTCTCGCGGTTGAGCTCGATACTTTT
CAGCAAGATTTTGACATTGATGATAACCATATTGGCATTGATATTCATAGTATTAATCTAT
AAGGTCTGAATCTTTAGCCAAACATGGGATTGAGCTTGCTCCAATTGGTGCAAGATTTTA
CAATATTTGGGTACAATATGATGGTATCAAGAAAGTTCTTGATGTGTACATAGCAGAACAA
GATGAGAAAAATGGCGCAACCCACCTAGGCCAAAGGATCCAATATTATCACATGATCTT
GATTTAAGGGATTTTGTGAATCAAGAATCATACTTTGGATTTTCTGCTTCAACAGGGAATT
TTAATCAATTGAATTGTGTGTTAAGGTGGAATTTTACAGTTGAGTATTTTCAAGAAAAAAT
CAATCTTTAACTCTTGGTTTAGGTGTTGGGGTTCATTATTTGTTCTATTCTTGATTTTGGT
AGTATATTTAGGGTATTATTGCTACAAAAAGAGGGTTGCTAGGTCAGAGTCAAATAGATT
GGTGCACCTAAGAGTTTGCCTGGAATGCCTAGAGATTTTGAATTTAAGTATTGAAGAAC
GCTACTGATAATTTGATGAAAAGAATAAGTTGGGTGAAGGGGGATTTGGAGTTGTATAC
AAAGGGTATTTAGTTGGTGAATTTTGGAAATTGCAGTGAAATGTTTTTCAAGGGAAAGT
ATGAAAGGTCAGGATGATTTCTTGGCTGAACTTACCATTATCAACCGTCTCAGGCATAAA
CATCTTGTCAAATTGCTTGGTAAGATTTTTTTTTTACTGTACTTTTTACTTTTTGTATTAAGG
AAAATTTGTTATATATAAGAGTTGTTGCTGTGTGACCAGAAAATCTCGAGTTGAAGCATGA
GTTGGAATCTTTTAAACAAGGTGCATGAATTTTCTGTTCTTAAAATAAGTCTTTACTACTA
TGGAGAAAAATTTAAGAGCTTTTATGCGCAGCGTCAAAAATGGTTTGCATAGATTTGAC
AACAGTTTGAAGTGAACAATATTTTTTCAACGAAGTAGGAGTTTGGACATGATTTTTGA
AAAAAGTAATATTTGAACTAAGTTGAAAACGGTGAATTTGAAATATATTTGGACAT
GCATTTTACTTGAAAAAAAAGTTGTATATTTTTTAGCGGAGAAAATAAATTTCTAAAATTT
GAAAAAGGGTTTTTTTTGCAAATTTTTATAAACTTGCAAAAATTTACAGACAAATACATTT
TTGAAAAAAAATTAACAATAAAAAAAGTTATAGACAAACGGGACCTAAATCTTGCTTCT
AATATTTTCTGAGGGTTTGGTACCAGAGATAATTAAGGGATAATTAATTTCAAGATTAAT
TTAAGATAATTTATCTTATGTTTGGTTGGAACAAAATCACTGTATAAATAATTTTCAAGATTA
GTTATCTCAGAATTATAATATTATTCTTATTCTTATAGAAGGGCGGGATAACTGAACTCGA
AACAAATTAATTTTGAAGATAATTTATTTCTCAACTAAACGACCCATATATGATGTTGCACTG
GTTGAACGGTTCTTCTTGCCTTTTTAAATTTTGGGTCCGCCTATAACCGGTGGGGATAA
CTTTGAATGTTAAAAGTTGGTCAATAGTGGATAGGATTTAGGAGTAATTGAGAGAACAATT
ATAAAAGCAAAAATATTGAATTATCTTTCTTTTCGAGATGAATAAAGAATCCTATGGAAAA
AGACTTCATGGATGTGATCGGAGAAAATGGTCCAATCTTTAAAACGAATAAAATATATGT
AAAGCCAAACCTTTGTAGGGTATGATCACTCGAATGCAAGAACCCTTTTGTAGCCTAA
ATAATAACAATAATGCCCTCTTGGAGCAAAAATCCAAAATTTAATAGTTAAGTTCTTGGCT
GGAAGACAGAAGGCACTGATTCATCCCTTTAGTATCTATTTTTGCTTTCTCTACCAACA
CTTTTACAGACATAGTCCCACAGAAATTTAAATTTTATGAATTTTAAATTTACAACCTAACTTAG
AGTTCATTATTTAGTTGTTAGGTTTGAATTAATATTTAATAATTTTTTTAGTACAAATATA
AAATTTAAGCAAAAAGTTGCTGGGTTTCTGCTGAACCCGTAGATAACACCCTCTCTCCGCC
ACTGCTTGTAGTTCTCAAGTTTGGAGCTTTGAAAATGGAGTAATCCGTTTTTATAAATTAGT
CCTACACGGCACGAATTTGAATTAATTAGATCAGTAGATTCCGGATATTATTTGATTCTTA
TGTACGATCTTTTGTCTTGTGCTCAAGCTTAAAATGTGCCCTAGATTAGTCTTTAAACAG
TGAAATCAGCAATGAGATCATTAGTGTCTTGAATCATGGTTTTGAACAGGAATTTCTTTT
TTGTGGAATCCTTCAACTAGCTTGTCTCATTCTTATCTTTAAGTCTTCTCGATTTTATC
TTGTGTTTATAAGGACTTTATTTAAAGTGTGTACATATAAGCAATGAGGTTCAAACATAA
AATTCAAATCCAAAATTTGCTTCTGACCATAGTCAAAGCAATTTTCTTGTGCTATACTTTCT
CAGTAAGAATCAAGGAAGCTTCATTGGAAAATCAACCTTCATTCAAATGTCAATTATTGTG
ACAAATTTGGTATTATCTAAAAGTTAATATCAACATCATAGCCACTGAATAGAACAATTTG
CTTCAAATGCAATCAACTCCAATTAATGCTAAGAGGTGACCCTACAACAATACATCATAA
TTGAGACCTGTTAAAACCTAGGTCCTACAAAATAGATGATTGGAGCACTGCTTACCCAACCT
TTTTTTTTGCCATGAAAAAGTTGATATCCTTAGCATTTTATAGATCATTATTGTTGATTG
GATAAATTGATATACCATTATTATTGTATCAAGGAATTAACCTATATACACTAACCGTATTA
AGAATTTTACATTATCAATGTGCTTTGATCTATTGTAGCAGATAAATTTACTTCAAAGGTGA
AACTGTTGTATCAGTTTGAAGCTAACCGGATTTTCTTTAAGGGGGTTCAATTTAAAATTT
AAAAGAGATTGTAGTTAGTGAGAATTGAACCGAGTGCCTCACAAAAGTTTTAACTTCTT
CACCCTAACTATGCTTTACGGTTATGATAAGTTGATTCAGAATATAACATATACAGATT
AAACAGAACTTGCCTTGTATGTACAATAAATTTTTCGGCGAAGAGGTTTTCGAGTGAAC
CCTTCGGCCCCCTAAATCCGCCCATGGCTGCAGCTATTATCATAGTATAAAAAATGAAG
GAGAACCTCGGCGTAACAAGTAAAGTTGTTATCATGTGACCAGGAGGTCACGGGTTCTGA

TTACGGGGTAAGGCTACGTACGATAGATCATTATGGTCCAGCCCTTCCTTGGACCCTGT
GCATAGCGGGAGCTTAGTGCACCGGACTGCCCTTTTTTGTGAGAAACATTTAACTATTGG
CCTTTCTAGCAGACTTATTGACTTTCAAGCAAATTAGTGTGCAACTACAAGCTGATGAGA
ACAGCAATACAGACATAAGCATCTTACAATCATATATTATTGTGACAGGATGGAGCCACA
AGCATGAAAAGCTAATACTTGTATTTGAATACATGCCAAATGGTAGCCTAGACAAACACC
TTTTCTCAGGTCCAGATAAAAAGCCACTCAGCTGGCAAGTCAGGTACAAGATTGTATCGG
GCGTCGCCTCAGCCCTGCACTATCTCCACGATGAGTTTGAGCAGAAAAGTGGTCCATCGT
GATCTTAAGGCGAGCAACATCATGCTCGACACCAACTTCAATGCACGCCTCGGTGATTTT
GGCCTGGCACGAGCACTTGACCACGAGAAGACCTCGTATGCTGAGTCCGAGGGAGTGC
TAGGCACGATGGGGTACATTGCACCAGAGTGTTCACACTGGAAAAGCCACTCAACAT
TCTGATGTCTATGCATTTGGGGCAGTATTGTTGGAATTAGTATGCGGCCAAAGGCCTGG
AACGAAAGTTAATGGCTTTCAACTATTCGCCGATTGGGTTTGGTACTTGCATCGCGACGG
TAGAATCCTCGAAACTGTTGACACGAGTCTCGGGGATGATTATGTAGCTGAAGAAGCAA
AGAGATTGTTACTTCTTGGCATGCTCTCATCCAATTGCTAGTGAAAGGCCTAAAA
CACAGACGATATTTCAAATTATATCAGGGTCAGTACCAGCACCAGAAGTTCCACCATTTA
AACCAGCATTGTGTGGCCTTCTATGGTGCCAATGGAAACTGATATAGACTCGAGTCTTG
TCGATACGATATCCATTACAACCTCCTCAGTTCAGTTCAGGAAACAACAGCGTTGAGTATC
GAAGCAAGTAG

>NbS00001007g0015.1 GenBank ID: KT225332
MGLLTAKLNTIFLCLQSIQAKLKKFDKQYGPFDETYDIFQVVPATISNQALQVTSDYA
KNLMILFNNAGRILFEQSFKLWDDSSKRVASFNSSFLVNIYRVKNETATEGLTFLISPDLELPT
NSLTNGNTDGRSANKVIAVELDTFKQEFDPDDNHIGIDIHSVISVKVESLTPHGIELAGIGARFY
NIWVQYDGIKKVLVDVYIVEQTEVNGSTPPRPENPILTHDVLDRDVVNQESYFGFSASTGNFS
QLNCVLRWNLTVLGFICSILDFVTTSGYYYHKKKAARSESITLGALKSLPGMPRDFEFKVLKK
ATNNFDEKNKLGEGGFGVYKGYLVGENLEIAVKWFSRESIKGQDDFLAELTLSTVFGINIFK
LLGWSHKHGKLLLIYKYPNGSLDKHLFSGPDKPLSWQIRYKIISGKVIHRDLKANNIMLDSK
SSKYRPRKE

>NbS00001007g0015.1 GenBank ID: KT225332
ATGGGATTGTTGACAGCAAACTCAACACCATCTTCATCTTTCTCTGCTGTCTTCAGTCCA
TATCTCAAGCCAAGCTAAAGAAATTCGATAAGCAATATGGACCCTTGACGAAACATACT
ATGACATATTTCAAGTAGTACCTCCTGCAACTATCAGTAACCAGGCTCTCCAAGTAACTT
CTGATTATGCCAAAAATTTAATGATCCTGTTCAATAATGCAGGAAGAATCCTCTTTGAACA
ATCCTTCAAATTTGTTGGGATGATAGTACAAAAGAGTGGCATCTTTCAACTCTTCATTCTC
GTAAACATTTACAGGGTAAAAAATGAACTGCAACTGAAGGTTAACTTTCTTGATTTCTC
CTGATTTAGAGCTGCCAACCAACAGTCACTGACAGCATTAGGCTTGACAAATGGTAATA
CTGATGGTAGATCTGCCAATAAAGTAATCGCAGTTCGAGCTTGATACATTCAAGCAAGAGT
TTGACCCTGATGATAACCATATTGGGATTGATATTCATAGTGTTATTTCTGTAAAGGTGCA
ATCTTTAACCCCTCATGGAATTGAGCTTGCTGGCATTGGTGCAAGATTTTACAATATTTGG
GTACAATATGACGGTATCAAGAAAGTTCTTGATGTGTACATAGTAGAGCAAACCTGAGGTA
AATGGCTCAACCCACCTAGGCCAGAGAATCCAATATTAACACATGATGTTGATTTAAGA
GATGTTGTGAATCAAGAATCATACTTTGGATTCTCTGCTTCAACAGGGAATTTTTCCAAT
TGAATTGTGTGTTAAGGTGGAACCTTGACAGTTGAGTACTTTCAAGAAAAAATCAATACTT
AACCATTGGTTTAGGTGTTGGGGTTCATTTGCTCTATTCTTGATTTTGTACTACTTCTGG
GTACTATTACCACAAGAAAAAGGCTGCTAGGTCAGAGTCAATTACACTAGGTGCACTTAA
GAGTTTGCCTGGAATGCCTAGAGATTTTGAAGTTAAGGTATTGAAGAAAGCTACTAATAA
TTTTGATGAAAAGAATAAGCTAGGTGAAGGGGATTTGGAGTGGTATACAAAGGGTATTT
AGTTGGTGAAAATTTGAAATTCAGTGAAGTGGTTTTCAAGGGAAGTATCAAAGGTCA
AGATGATTTCTTGCTGAACTTACTTTATCAACCGTCTTCGGCATAAACATCTTCAAATTG
CTTGGAAGTATTTTTCACTCTACTTTTACTTTTCGTATTAAGGAAAACCTGGCACAAACAG
GTGTTGCTGTCTGACTAGAAAATCACAGGTTTAAGCAAAAACAGCAACATGCAGAAACTT
GAGTTCATGATCTTTTTTAAAACCGTGTTCCTCGGGCATCGCTTTGTGAACCCGACTA
GCTATACCCACCGGGTCCCACTGTTTCAAGGCGTGCAACCGGTTAGTTCCACGGGGC
CCTGAAGACGAGGCTGGTTCAGGGTTGAGTTCATGAGTTGAATTATTGCTTTGCTACACT
CTATTCAGTGAGAACCCATTTCTCCAGCTTCTCTCTGATCAGTTTCTCTGCCTGTTTGAGT
CCAGTGGTGTTCCTGCATCCTCAGGTCCTCTTCACTATCATTAGTTGTTGTCTGCAGC
TCTTAATCTTGTAACACTACTCCTGATTATTGAGTTGATTGAGATTTTTGATTTCTGCTTG
ACCTTCTTCAGTTTGCCTCAAATATTTTGCATGTGGCCTCTCTTGTTTATATTGGTCGATC

CTTTCTCCACACTGCTGAAACTCTGAATGCTCCACAATGAAGTTAAAAACCTGAATG
GTCTATAACTTTTGACATTCCATGTGATTAATTTTCATCGTATATTGGAAGGTTGTTGTAGG
TAACCTGCCTTATTTTCTAGTAGATTACTAGTTTCACCTTTTATGAATAGTTACATGTAATT
ATTATTTAGCTGACTTGATAGTGTAAGGTAATTTACTCAATCAGTGTATATAAGTTAAAC
TCTCGTATCATTGAGAGAAAATCACATCTATGACATTACTCTTACTAATAGCATCGCATC
AAAACAACAACACTATCCAGTATAGTCCCGTAAAGTGAGGTCTGGGGAGAGTAATATGT
AGACGAGCCTTACCCCTATCCGAAAGGGCAGAGAGGCTGTTTCCAATCGACAATCGGTT
CAGTGAAGGAAAGGAAAAACAAAAACAAAAACAAAGACAAAAGAGCATTAGTAACTCCAG
CAGAAATAGCGTAAATAATTATTTAAACATAATAACCATAAATAAAACACTTATAGTATTAT
CTGCCTTTGTAGAAAACTTTTTATTTGTTTTCTACCATATTATTGTGTTAACTTCAAGCTG
ATTAGGAGAGCAATAGAGACACATATCTTACAATACATATTATTGTGACAGGATGGAGCC
ACAAGCATGGAAAGCTACTACTTATATAACAAGTACATGCCAAATGGTAGCCTAGACAAC
ACCTTTTCTCAGGTCCTGATAAAAAGCCACTCAGTTGGCAAATCAGATACAAGATTATTTT
GGCGTCTCGCTTCAGCCCTGCACTATCTACACGATAAGTTTTAGCAGAAAGTGATCCATC
CGATCTTAAGGCGAACAACATCATGCTCGACTCCAAGAGCTCCAATATCGCCCAAGA
AAGGAATAA

>NbS00012093g0021.1

MGLLTAKLLTIFILSCLQLKIQAKLKTFFNKEYPSFDETFNIFEVEKPATISNGALQVTPDSAS
DDFELNNNSGRILLKQPFKLWDGDISNNKSRVASFNSSFLVNIYRPNKNETAAEGLAFLISPDLE
KPLNSQGGYLGLTNATTDGNSTNKVVAVELDTFKQNFDPDGNHIGIDIHSVRSVKYESLSSH
GIELAPIGARFYNIWVQYDGIKKILDVYIAEQAQEKDGSTPPRPNNPILTYNLDLKNHVNQESYF
GFAASTGSNYQLNCVMRWNLVEYFPGKHPWLKVVLVGVIPVVVLLLLGAAYLGYIYHRRR
VDRSQSNILGALKSLPGTPQEYKFKALKKATNNFDEKNKLGQGGYGVVYASLVEGVGIPVVV
LLLLGAAYLGYIYHRKRVDRSQSNILGALKSLPGTPQEYKFKALKKATNNFDEKNKLGQGGY
GVVYRGFLAAEDKDIKVFWSRESIKGEDDFLAELTIINRLRHKHLVKLLGWCHKNGKLLLVY
EYMPNGSLDMHLFSGPDKQPLSWHVRYKIMQGVASALHYLHNEYEQRVVHRDLKASNIMLD
SQFNARLGDFGLARALDNERTSYAEAEGVLGTMGYIAPECFHTGKATSQSDVYAFGAVLLE
VCGQRPQTKVNGFQFFVDWVWYLHRDGRILEAVDQRLGDDYVAEEAKKLLLLGLACSHPI
ASERPQTIVQIISGSAPAPDVPFPAFVWPSMMPMDIDSSVMDTTSITTSHFNSGWSLD
YQSRETPTYADHPNSLV

>NbS00012093g0021.1 Corrected; GenBank ID: KT225333

MGLLTAKLLTIFILSCLQLKIQAKLKTFFNKEYPSFDETFNIFEVEKPATISNGALQVTPDSAS
DDFELNNNSGRILLKQPFKLWDGDISNNKSRVASFNSSFLVNIYRPNKNETAAEGLAFLISPDLE
KPLNSQSQYLGLTNATSDGNSTNKVIAVELDTFKQNFDPDDNHIGIDIHSIRSVMKYESLSSHGI
ELAPIGARFYNVVQYDGIKKILDVYIQAQEKDGSTPPRPNNPILTYNLDLKDHNQESYFG
FSASTGSNYQLNCVLRWNLVEYFPDKHPWLKVVLVGVIPVVVLLLLGAAYLGYIYHRKRV
DRSQSNILGALKSLPGTPQEYKFKALKKATNNFDEKNKLGQGGYGVVYRGFLAAEDKDIKVF
WFSRESIKGEDDFLAELTIINRLRHKHLVKLLGWCHKNGKLLLVYEYMPNGSLDMHLFSGPD
KQPLSWHVRYKIMQGVASALHYLHNEYEQRVVHRDLKASNIMLDSQFNARLGDFGLARALD
NERTSYAEAEGVLGTMGYIAPECFHTGKATSQSDVYAFGAVLLEVCGQRPQTKVNGFQFF
VDWVWYLHRDGRILEAVDQRLGDDYVAEEAKKLLLLGLACSHPIASERPQTIVQIISGSAP
APDVPFPAFVWPSMMPMDIDSSVMDTTSITTSHFNSGWSLDYQSRETPTYADHPNSLV

>NbS00012093g0021.1 Corrected; GenBank ID: KT225333

ATGGGATTGTTGACAGCAAATACTCACCATTTTCATTTTTCTCAGCTGTCTTCAACTCA
AGATTCAAGCCCAGAAACTGAAAACGTTCAACAAAGAATATCCATCTTTTGATGAAACTTT
CTTTAACATTTTTGAGGTTGAAAACCTGCAACAATCAGTAACGGTGCTCTTCAGGTGAC
TCCTGACTCTGCATCTGATGATTTTGAACCAATAAATACTCGGGAAGAATCCTCTTGAAA
CAGCCATTTAACTCTGGGATGGTGATATTTCAAACAATAAAAGCAGGGTTGCATCCTTC
AACTCTTCTTTCTTGTAAATATTTATAGGCCAAAGAATGAAACAGCTGCTGAAGGTTTAG
CATTCTTGATTTCTCCAGATTTAGAGAAGCCACTCAATAGCCAAGGGCAGTATTTGGGTT
TGACAAATGCTACTACTGATGGAAATCCACCAATAAAGTTGTTGCTGTTGAGCTTGATA
CTTTCAAGCAAACTTTGACCCTGATGGCAACCATATTGGTATTGATTTACAGTGTTAG
ATCTGTAAGTATGAATCTTTGTCATCTCATGGGATTGAGCTTGCTCCTATTGGTGCAAG
ATTCTATAATATTTGGGTACAATATGATGGAATCAAGAAAATCTTGATGTGTATATTGCA
GAACAAGCTGAAAAAGATGGCTCTACACCACCTAGGCCAAACAACCCTATATTAACATAT
AATCTTGATTTAAAAAACCATGTGAATCAAGAATCATATTTTGGATTTGCTGCATCAACTG
GGAGTAATTACCAACTCAACTGTGTGATGAGGTGGAACCTAACAGTTGAGTACTTTCCAG

GTAAAAAGCATCCATGGTTGAAGGTTGTTTTAGGGGTTGGGATTCCAGTGGTGGTGTAT
TACTACTTGGGGCAGCATATTTAGGGTATATTTATCACAGGAGAAGAGTGGATAGGTCAC
AGTCAAACATATTGGGTGCACTAAAGAGTTTGCCTGGAACCCCAACAAGAGTATAAGTTCA
AGGCTTTGAAAAAAGCTACCAACAATTTTGATGAAAAGAATAAGCTTGGGCAAGGGGGAT
ATGGGGTGGTTTACAGAGGATTTTLAGCTGCTGAGGATAAAGATATTGCAGTCAAGTGGT
TTTCAAGGGAAAGTATCAAAGGTGAAGATGATTTCTTGGCTGAACTTACCATCATTAAATC
GTCTCAGGCATAAACATCTTGTCAAATTGCTTGGTAAGTCTTTTTATTTTTGTTTGAATGTA
GATATTGGAATGTTTCTTACCATGAATTTTCACTGTTTAAAAAGAGTAAAGAGTTATGTTA
TGCATGTTTTAGTATGATCTTGGTAGTAGGCTCAGCATGACAACATATTAGGTTTAAAAG
CAGTTAGGAAAATGGTACTAATAATTGTCCATCGTATAAGAGAGTACAAGAAAATGAGCT
TTTGATGGCAACTACAAAGATTGTGTTCCGCGCACAGCTTTTAGCTAAACCTTTGAGTCAC
AATGAGGCACATCTCCAGTATTTCCATTGAAGTGATAAATTTGTTACCTTTCTCGGGGA
AAAAAATAGTCCGGTGCCTAAACTACTCATTATGTGTGGGGTCCGGGGAAGGCCAGAC
CACAAGGGTTTTATTATTCACAACTTACCCTGTATTTTTACAAGAGGTTGTTTCCACGCCCT
TAACTCATGATCTCCCGATCACATGACAACAGTTTTTACCATTTACGCCAAAACCTCCCCTT
TCCTTTCTTTAAAAAGAAAATCACTGATATAAATGTTGTTACAAGGTCCGAGTTGTATGA
AGGGGTTTAAATTGAATCCTGTTTGGTGGAGAAGTAAAATGTGCAAATATGATAAAATTGAT
TCTTTGTGTATAAAGAAAGTTTACAGTGTAGCAGCAAGGTGGTTCAAAAATGATTTAGGT
CGTAGATTTGAATCCACTGTGATAATCTTGCATTTTCTTAAATTTAGGATTCTATCTCTGC
CCCTACCATAATTACGTAATAGAGACGGGGACAAAGGAAAGGGGCCTTGTTTTATTGAC
GTTTAGCATTTAGTAATCAGATACAAAATTCTGGTATGTTCTTGATTCCAACGAAAAAGA
GAATTCATTAACAAGGACTCTACTGAGAGAATGGTCCAAAAGTTATTGAGATAATTTAAA
AGCAAAGAGTGGTGGGGCATCAACTTTAATGGTAAATTTGGTACTAATAGACTGATTAAC
CGCGTGGCAAGAATCCACTGGGCACATGCCTTATCTTTTTATGCTTTTCTTTTCCAGTG
ACTTCCACTCAGATATCTGTGAGCTTTCTTTTATTGACTAAGTTGCGAAATGTTGATGT
TGGACTTGTCTTTCTAGTCTGGCATTAGCTTGTAGGAATTCTATAAACATTTTTAGACA
TTTAATGTGAGGAGTGAGAAAACTTTTTAAAGATATATACGTACGGATTATTTTGTAAAA
CAAATTGAATTCCTTCTTGATTACATAACTGACACTTATTTTAACTAAAATAAAAAAGTAA
ATTGGACACTCATTGTGAACCGAAGGGAGTACTAAATTGGATTTTCTGAGAAGCAGATTT
GTCGGTTTGAAGAATCAAAGCCTTCTTGAACCCTTGTAAATTTAACTTGGTCCCTCTTTTGT
CTTTATTCTCTTTCTTTATTGGAATTCTCGAGTCATCCCAAACGATTTGTCAAAGCTTCT
CCTTGGAGCTCCGGTTATTAGCGTAGCCGAAATTTAATAGCCCGATTAATTAGCCTCGTG
CTGGGGTGTCTGTGATGGTAATCAACCCCACTTCTAACCAAGAGGTTGTTAGTTCCGAGTC
TCTCCAAGATCAAGGTGGGAAGTTCTTGGAGGGAAGGATGCTGGGGTCTATTTGGAAC
AGCCTCTTACCAAGGTAAGGTCTGTGTACACAGTACCCTCCCAGACCCCACTAAGT
GGGATTAAAGTGGGTTATTGTTGTTGTTGTTGTTGCTGGATTGGATTCTTCTCAAGAG
CTTTCTTAAGAATGGCGTGAAGCCTAGACTCCGGTTAAAGATGGAAGAACAATCAATCA
TCTCTTAATAGTTGATTCCTGCAATATGATAAGTGATAGTTTATCCTATATAAAATCATGGA
AGTAGGAAAACTAATGGAATGACCTTAAATATTTTGACCAAGAACCAACTTGCTGCTAT
GTCCCTCCAATTTAGAACATTGAATCTCAGCAGCCATTCGTCAAACCATTCTTTTATGCC
ATATATGTCAATATTTTGAAGGAACTTCTTCTTTGTCTTAAACATACCTTTCAATGCATTGT
CAATGATTGAGACAAGTTTTTGAATGTTAAATAAAGTGATGATAATTATATCATCAACTTC
GTATTTTAGTATACAATCATCTTCAACACCTAATCTTTTGTGTCAATCTACTCTTGTCTATC
TGACCCTACAAAGAGATAAAGTTCATGACTTTCTTTTATAAACTACAGAATAAAGTTGACC
GTCTGCAATTCTTCTCTATTTGATGAACTTATACATCTTTGTTACTGAATCACTGGATAA
TTTTTATTGATAAAAGACAATCTTACTGACATAAGCATCTTATAATTGCATGTTATGGTAAC
AGGATGGTGCCACAAGAATGGAAACTACTGCTTGTATACGAATACATGCCTAATGGCA
GCCTAGATATGCACCTTTTTTTCGGGGCCAGATAAGCAGCCCCTGAGCTGGCATGTCCGC
TACAAGATTATGCAAGGTGTTGCCTCAGCATTGCACTATCTGCACAATGAGTATGAGCAG
AGGGTGGTCCATCGGATCTAAAGGCAAGTAACATAATGCTCGACTCTCAGTTCAATGC
ACGCCTTGGGGATTTTGGCCTTGCACGAGCCCTTGACAACGAAAGGACCTCGTATGCTG
AGGCCGAGGGAGTGCTTGGCACAATGGGATACATAGCACCAGAGTGTTTCCACTGG
GAAAGCCACATACAATCTGATGTTTACGCATTTGGGGCCGTGTTGTTGGAAGTTGTATG
CGGCCAAAGACCTGGAACCAAGGTTAATGGCTTTCAATTCTTTGTTGATTGGGTTTGGTA
CTTGCATCGGGATGGTCGTATCCTAGAAGCTGTTGATCAAAGGCTTGGAGATGACTATG
TTGCTGAAGAAGCAAAGAACTTCTGCTGTTAGGTTTGGCTTGTCTACATCCAATTGCAA
GTGAGAGACCTAAAACACAGACAATAGTTCAGATTATATCAGGGTCCAGCACCAGCACCA
GATGTTCCACATTTAAGCCAGCATTGTATGGCCATCTATGATGCCAATGGACATAGAT
TCTAGTGTATGGACACAACATCTATTACAACCTTCTCACTTCAATTCAGGATGGAGTCTTG
ACTATCAAAGCAGGGAGACCCCAACATATGCAGACCACCCCAACTCATTGGTGTAG

>NbS00020337g0016.1 GenBank ID: KT225334
MGLLTAKKLTIFVLLCCLQLKIQAKLKTFFNREYLSFDETFNIFEVEKPATISNGALQVTPDSA
SEDFELNNSGRILLKQPFKLWDGDISNNSRVASFNSSFLVNIYRPKNETAAEGLAFLISPDL
EKPLNSQSQYLGLTNATSDGNSTNKVIAVELDTFKQNFDPDDNHIGIDIHSIRSVKYESLSSHG
IELAPIGARFYNVVWVQYDGIKKILDVYIVEQAENKSTPPRPNNPILTYNLDLKDHNQESYFG
FSASTGSNYQLNCVLRWNLTVVEYFPDKKHPWLKVVLGVGIPVVVLLLLGAAYLGYIYHRKRV
DRSQSNILGALKSLPGTPQEYKFKALKKATNMFDEKNKLGQGGYGVVYRGFLAAEDKDIKAVK
WFSRESIKGEDDFLAELTIINRLRHKHLVKLLGWCHKNGKLLLVEYMPNGSLDMHLFSGPD
KQPLSWHVRYKIVQGVASALHYLHNEYEQRVVHRDLKASNIMLDSKFNARLGDFGLARALD
NERTSYAEAEGVLGTMGYIAPECFHTGKATSQSDVYAFGAVLLEVCGQRPGTKVNGFQFF
VDWVWYLHRDRILEAVDQRLGDDYVAEEAKKLLLLGLACSHPIASERPKTQTIVQIISGSAP
TPEVPPFKPAFVWPSMMPDIDSSVMDTTSITTSHFNSGWSLDYQSRETPTYADHPNSLV

>NbS00020337g0016.1 GenBank ID: KT225334
ATGGGATTATTGACCGCAAAAAACTCACCATTTTCGTCTTATTGTGCTGTCTTCAACTCA
AAATTCAAGCCCAGAACTGAAAACCTTCAACAGAGAGTATCTATCTTTTGATGAAACCTT
CTTTAACATATTTGAGGTTGAAAAGCCTGCAACAATCAGCAACGGTGCTCTTCAGGTGAC
TCCTGACTCTGCATCTGAAGATTTGCAACTCAATAATAACTCAGGAAGAATCCTCTTGAAA
CAGCCATTTAACTCTGGGATGGTGATATTTCAACAATAAAAGCAGGGTTGCATCTTTC
AACTCTTCTTTCTTGTAATATTTATAGGCCAAAGAATGAAACAGCTGCTGAAGTTTAG
CATTCTTGATTTCTCCAGATTTGGAGAAGCCACTCAATAGCCAAAGCCAATATTTGGGTTT
GACAAATGCTACTAGTGATGAAATTCACAAATAAAGTTATTGCTGTTGAGCTTGATACT
TTTAAGCAGAATTTGACCCTGATGATAACCATATTGGTATTGATATTCACAGTATTAGAT
CTGTAAGTATGAATCTTTATCATCCCATGGGATTGAGCTTGCTCCTATTGGTGCAAGATT
CTATAATGTTTGGGTACAATATGATGGTATCAAGAAAATTTCTTGATGTGTATATTGTAGAA
CAAGCTGAAAAAATGGCTCTACACCACCTAGGCCAAATAACCCCATCTTAACATATAAT
CTTGATTTAAAAGACCATGTGAATCAAGAATCATATTTGGATTTTCTGCATCAACTGGGA
GTAATTACCAACTCAACTGTGTGCTGAGGTGGAACCTTAACAGTTGAGTATTTTCCAGATA
AAAAGCATCCTTGGTTGAAGTTGTATTAGGGGTTGGAATTCAGTGGTGGTGTATTGC
TACTTGGGGCAGCATATTTAGGGTATATTTATCACAGGAAAAGAGTTGATAGGTCACAGT
CAAACATATTGGGTGCCCTAAAGAGTTTGCCTGGAACCCACAAGAGTATAAGTTCAAG
GCTCTGAAAAAAGCTACTAACAATTTTATGATAAAGAATAAGCTTGGGCAAGGTGGATAT
GGAGTGGTTTATAGAGGATTTTATAGCTGCTGAGGATAAAGATATTGCAGTCAAGTGGTTT
TCAAGGGAAAAGTACAAAGGTGAAGATGATTTCTGGCTGAACCTACTATCATTAAATGTAG
CTCAGGCATAAACATCTTGTCAAATTACTTGTAAGTCTTTTCATTTTTGTTTGAATGTAGA
TATTGGAATGTTTCTTACCATGAATTTTCATCTGTTTGAAAAGAGTAAAGAGTTATGTTATG
CATGTTTCTAGTATGATCTTGGTAGTAGGTTTCAGCGTGACAACATATTAGGTTTAAAAGCA
GTTAGGAAAATGGTACTAATAGTTGTCCATCGTATAAGATAATACAAGAGAATGATCTTTT
GATGGCAACTGCAAAGATTGCGTTCGCACACAGCTTTTAGCTAACCTTTGAGAGTCACAA
TGAGGACACATCTCCAGTATTTCCATTGAAGTGATATAAATTTGTTACCTTTCTCGGAAA
AAAAAATAGTCTGGTGCCTAACTCCCACTATGCGTTGGGTCCGGGGAAGGTGAGACC
ACAAGGGTTTATTGTGCGCAACCTTACCCTGCATTTTTACAAGAGGTTATTTCCATGGCT
CATACCCATGACCTTTTGGTGCATATAACAACGGTTTTTACCAATTACGCCATACTCTCCTTT
ATCTTTCTTTAAAAAATTACTGGGTGCGAATTGTATGAAGGGGTTAATTGAATCCTCTT
TGTTGGAGAAGTAAAGTGTGCAAATATGATAAAATTGATTCTTTTTATATAAAAAAAGTTT
ACAGTATAGCAGGAAGTTGGTTCAAAAATATATTTAGGTCATGGGTTTGAATCCACTGTG
ATAATCTTGCATTTTCTTAAATTTAGAATTTCTTCTCTGCCCTTCCATAATTAGGTGATAT
AGACCGGGAGACGTGCTGCATTGGATTCACTAAAGTGAGAAACGCTTCCATCAAGAGT
TTTCTAAAGGATGACTTGAAGCCTAGACTTCCGGTTAAAGATGGAGGAATCATATTCAT
CACTTAATAGTTGATTCCAGCAATATGATAAGTGATAGTTTATGCCATATAACATCATGGA
AGTAGGAAAACTAATGGTGACCAAGAACCAACTTGCTGCAATGTCCCATCCAATTTTGA
ACATTGAATCTCCTCATATGATTTTCTTGAAGAGAACAAAAAGAAGATGATCATCTTTGG
CTGACCGTGGAAATATGCCCTAAGCAGCCATTTCGTTAAACCATTTTTATGCCATATTTATAT
GTCAATATTTGAGGAAGCTTCTTCTTGTCTAACATACCTTTCAATGCATTGTCAATG
ATTGAGACAAGTTTTTGAATGTTAAATTAATGATGATAATTACATCCACTGAAAAGGACA
TCAACTTCGATTTTAGTATACAGTCACTTCAAACACGTATTCTTTTGTGTCATCTACTCT
TGTCATCTGACCCTACAAAGAGATAAAGTTTCGTGACTTCTTTTTATAAACTACAAAATGA
AGTTGACCATCTGGAATTTGTTCTCTGTTTGATAAACTTATACATCTTGTTACTGAATCACT

GAATAATTTTTATTGATAAAAAACAATCTTACTGACATAAGCATCTTATAATTGCATGTT
ATGGTAACAGGATGGTGCCACAAGAATGGAAAACACTGCTTGTATATGAATACATGCCT
AATGGCAGCCTAGATATGCACCTCTTTTCGGGCCAGATAAGCAGCCGCTTAGCTGGCA
TGTCCGCTACAAAATTGTGCAAGGTGTCGCCTCAGCATTGCACTATCTGCACAACGAGTA
CGAGCAGAGGGTGGTGCATCGCGATCTAAAGGCAAGTAACATAATGCTCGACTCCAAGT
TCAATGCGCGCCTTGGGGATTTTGGCCTTGACGTGCCCTTGACAACGAAAGGACCTCA
TATGCTGAGGCTGAGGGAGTGCTTGGCACTATGGGATACATAGCACCAGAGTGTTTCCA
CACCGGTAAGCCACATCGCAATCTGATGTTTACGCATTTGGAGCCGTGCTGTTGGAAG
TTGTATGTGGCCAAAGACCTGGAACCAAGGTTAATGGCTTTCAATTCTTTGTTGATTGGG
TATGGTACTTGCATCGCGACGGCCGTATCCTAGAAGCTGTTGATCAAAGGCTTGGAGAT
GACTATGTTGCTGAAGAAGCAAAGAACTTCTGCTATTAGGTTTGGCTTGTCTACATCCA
ATAGCAAGTGAGAGGCCTAAAACACAGACAATAGTTCAAATTATATCAGGGTCAGCACCA
ACACCAGAAAGTTCCGCCATTTAAGCCGGCGTTTGTATGGCCATCTATGATGCCGACGGA
CATAGACTCTAGTGTTATGGACACAACATCTATTACAACCTTCTCACTTCAATTCAGGATGG
AGTCTTGACTATCAAAGCAGGGAGACCCCAACATATGCAGATCACCCCAACTCATTGGT
GTAG

>NbS00006201g0004.1

MHFLSLQKLLTVTLFLILINSPLSSPFFPLNNVTLYGDASFTTNSIYLTQQRNCSSNSPSISAI
GRAFYVYPIRFLDSLNTNTASFLCTFSFTILPTTPSCPFGDGFAFLISSDVDSLNTSNGYMG
NRDSDMGDSFLAVEFDNDNDNHIGIGVKEVKFLASADVNLKSGKELTAWIEYKDSEKMMRVWI
GYEMQIRPFNPVLATKIDISNQLKEFMRTGFTAKGSAVYSINRWRFRFTFGLLSSQTSWDHQS
DEGDCLMCFPEEIGEHSFAPHHSKSLLLKIFVYGGGLAAVVTLVVVGILAIVSFVLRKRDGSR
GENEGQMCRFQGNRVPQRLSLSEIKSATEGFNNERIIGEGGSAVVYEGDIPSKGTVAIKRFV
QGTRLGPSHIPFNTEFASMVGCLRHKNLIQFQGWCCERNELVLYEFMPNGSLNKILHEHSH
FAKFLTWERRLNIVLGVASALVYLHEECENQIIHRDVKTCNIMLDAEFNACVFA

>NbS00006201g0004.1 Corrected; GenBank ID: KT225335

MHFLSLQKLLTVTLFLILINSPLSSPFFPLNNVTLYGDASFTTNSIYLTQQRNCSSNSPSISAI
GRAFYVYPIRFLDSLNTNTASFLCTFSFTILPTTPSCPFGDGFAFLISSDVDSLNTSNGYMG
NRDSDMGDSFLAVEFDNDNDNHIGIGVKEVKFLASADVNLKSGKELTAWIEYKDSEKMMRVWI
GYEMQIRPFNPVLATKIDISNQLKEFMRTGFTAKGSAVYSINRWRFRFTFGLLSSQTSWDHQS
DEGDCLMCFPEEIGEHSFAPHHSKSLLLKIFVYGGGLAAVVTLVVVGILAIVSFVLRKRDGSR
GENEGQMCRFQGNRVPQRLSLSEIKSATEGFNNERIIGEGGSAVVYEGDIPSKGTVAIKRFV
QGTRLGPSHIPFNTEFASMVGCLRHKNLIQFQGWCCERNELVLYEFMPNGSLNKILHEHSH
FAKFLTWERRLNIVLGVASALVYLHEECENQIIHRDVKTCNIMLDAEFNAKLGDFGLAEVFDN
SRTRDATVPAGTMGYLAPEYVFSGVPTVKTDVYSFGVVVLEVASGRKPIDECGGLTTDWWW
DLWEKGRITEAADPKLKRFLKNEMDRVLVGLSCVHPNQEKRPRMREVSRLMKDEAPLPI
LPPKPSVRIQSVLPEGCEEIMNCAGKMEDSPWATPRTHFSRN

>NbS00006201g0004.1 Corrected; GenBank ID: KT225335

ATGCATTTTTCTTTGCAAAAACCTTTAACAGTCACTCTATTTCTCATCTTAACCATCAATTC
ACCTTCCCTTTCATCTCCTTTCTTCCCTCTTAACAATGTAACCTTTACGGTGACGCTTCT
TTCACCACCAACTCCATTTACCTCACTCAACAGCGCAACTGTTTCATCAAATTCACCTTCCA
TTTCTGCCATTGGTAGAGCTTTCTATGTTTACCCATTGTTTTCTTGATTCTTTAACAAT
AACACTGCTTCTTTCTTATGCACCTTTCTCTTTTACTATTCTCCCTACTACCCCTTCTTGCCC
TTTTGGTGATGGCTTTGCCTTTTTGATCAGTTCTGATGTTGATTCTTTGACCAACTCTAAT
GGTTACATGGGTCTTCCCAATCGAGATTCTGACATGGGAGATTCACTTCTGGCCGTGGA
ATTTGATACAAACGATAATCATATTGGTATTGGTGTTAAAGAAGTTAAGTTTTTGGCTTCT
GCTGATGTTGATTTGAAAAGTGGGAAAGAATTGACGGCTTGGATTGAGTATAAAGATTCT
GAAAAAATGATGAGAGTTTGGATTGGTTATGAAATGCAAATTAGGCCTTTAATCCTGTTT
TCGCTACTAAAATTGACATTTCCAATCAGTTGAAGGAGTTTATGAGAAGTGGTTTCACTGC
AAAAGGCTCTGCAGTTTACAGCATTAAATCGTTGGCGATTGAGAACGTTCCGATTGCTTTC
GTCTCAAACGTCTTGGGATCATCAATCCGATGAAGGAGATTGCTTGATGTGTTTTCTGA
GGAATTGGTGAGCATTCTTCTGCCCTCATCATAGTAAAAGTTTACTGAAATTGATTTTT
GTATATGGTGGCTTAGCTGCAGTTGTTACACTTGTGTTGGTATTCTGGCTATTGTGTCT
GTTTTTGTGTTAAGGAGAAAAAAGGGATGGTAGTAGAGGGGAAAATGAAGGTCAAAT
GTGTAGATTCCAAGGAAATAGAGTGCCTCAAAGATTGTCAATTATCTGAAATAAATCAGC
CACAGAAGGATTTAATAATGAAAGGATAATTGGTGAAGGAGGATCTGCTGTTGTATATGA
AGGAGATATTCCTTCTAAGGGAAGTGTGCTATTAAGAGATTTGTTCAAGGGACTAGATT

AGGTCCTTCACATATTCCATTTAACACTGAATTTGCTTCTATGGTTGGCTGCTTAAGACAC
AAGAATTTGATTCAGTTCCAAGGATGGTGTGTGAGAGGAATGAGTTGGTTTTAGTTTAT
GAATTCATGCCTAATGGTAGCCTTAACAAAATCCTACACGAACACTCGCATTGCTAAG
TTTCTGACATGGGAGCGAAGGCTGAATATAGTTCTTGGCGTTGCGTCTGCTCTGGTGTAT
TTGCATGAAGAGTGTGAGAATCAAATAATTCATAGAGATGTGAAGACTTGTAAATAATGC
TTGATGCTGAGTTCAATGCTAAGCTTGGGGATTTCCGGTTAGCTGAAGTGTGATAATT
CCAGGACAAGGGATGCTACTGTACCAGCTGGAACAATGGGATATTTAGCTCCTGAATAC
GTCTTTTCTGGCGTTCCAAGTGTCAAACGGATGTGTATAGCTTTGGTGTGTTGGTACTA
GAAGTAGCATCGGGGAGAAAAGCCTATCGATGAATGTGGGGGTTTACTACTGATTGGGT
GTGGGATTTGTGGGAAAAGGGGAGGATAACTGAGGCTGCTGATCCGAACTAAAGGA
CGTTTTCTGAAGAACGAGATGGATAGGGTGCTCGTCGTGGGACTTTCTTGTGTGCACCC
TAATCAGGAGAAGAGGCCGAGAATGAGGGAAGTTTCCCGTATGCTTAAAGATGAAGCTC
CCCTGCCATTTTGCCTCAAAGAAACCAAGTGTGAGAATCAATCTGTTTTACCAGAGG
GATGTGAAGAAATCATGAATTGTCTGAAAAATGGAGGATAGCCCATGGGCAACTCCA
AGAACTCATTTTAGCAGGAAGT

>NbS00021029g0001.1

MHFLSLQKLLTVTLFLVLTINSPSLSSPFSPLNNVTVYGDASFNTNSICLTQQRNCSSNSPISAI
GRAFYVYPIRFLDSLNTASFLCTFSFTILPTTPSCPFGDGFAFLISSDVSLSNSNGYMG
KQDSDMGDSFLAVEFDTNDNHIGIGVKEVKFLVSADVNLKSGKELTAWIEYKDSEKMMRVW
GYEMQIRPFNPVLATKIDISNQLKEFMRIQFTAKGSVVYSINRWRFRFTFGLSSQTSWDHQS
DEGDCLMCFPEEIGEHSAPHHGKSLKLIFFVYGGAAVTVLVGLVLAIVSVFVLRKRKRDSS
RGDNEGQMCRLQGNRVPQRSLSEIKSATEGFNNERIIEGGSSAVVYEGDIPSKGTVAIKRF
VQGTRLGSPSHIPNTEFA

>NbS00021029g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225336

MHFLSLQKLLTVTLFLVLTINSPSLSSPFSPLNNVTVYGDASFNTNSICLTQQRNCSSNSPISAI
GRAFYVYPIRFLDSLNTASFLCTFSFTILPTTPSCPFGDGFAFLITSDVSLNSNSNGYMG
KQDSDMGDSFLAVEFDTNDNHIGIGVKEVKFLVSADVNLKSGKELTAWIEYKDSEKMMRVW
GYEMQIRPFNPVLATKIDISNQLKEFMRIQFTAKGSVVYSINRWRFRFTFGLSSQTSWDHQS
DEGDCLMCFPEEIGEHSAPHHGKSLKLIFFVYGGAAVTVLVGLVLAIVSVFVLRKRKRDSS
RGDNEGQMCRLQGNRVPQRSLSEIKSATEGFNNERIIEGGSSAVVYEGDIPSKGAVAIKRF
VQGTRLGSPRIPNTEFASVMGCLRHNLIQLQGWCCERNELVLYEFMPNGSLNKLHEHS
HFAKFLTWERRLNIVLGIASALVYLHEECENQIIHRDVKTCNIMLDAEFNAKLGDFGLAEVFDN
SRTRDATVPAGTMGYLAPEYVFSGVPTVKTDVYSFGVVVLEVASGRKPIDECGLITDWWV
DLWEKGRITEAADPKLNRFQKNEMDRVLVGLSCVHPNEEKRPKMREVARMLKEEAPLPI
LPPKKPTVRIQSVLPEGCEEIMNCAGKLEDSPWATPRTHFSRN

>NbS00021029g0001.1 Corrected; GenBank ID: KT225336

ATGCATTTTCTTTGCAAAAACCTTTAACAGTCACTCTGTTTCTCGTATTAACCATCAATTC
ACCTTCCCTTTCATCTCCTTTCTCCCCTCTTAACAATGTAAGTGTACGGCGACGCTTCT
TTCACCACCAACTCCATTTGCCTCACTCAACAACGCAACTGTTTCAATCAATTCACCTTCCA
TTTCTGCCATTGGTAGAGCTTTCTATGTTTACCCAATTCGTTTTCTTGATTCTTTAACAAAT
AACACTGCTTCTTTCTTATGCACCTTTCTCTTTTACTATTCTCCCTACTACCCCTTCTTGCCC
TTTTGGTGATGGCTTTGCCTTTTTGATCACTTCTGATGTTGATTCTTGTCCAACCTTAAT
GGTTACATGGGTCTTCAAAGCAAGATTCTGATATGGGAGATTCACTTCTTGCCCGTGGAA
TTTGATACAAACGATAATCATATAGGTATTGGTGTAAAGAAGTTAAGTTTTTGGTTTCTG
CTGATGTTAATTTGAAAAGTGGGAAAGAATTGACGGCTTGGATTGAGTATAAAGATTCTG
AAAAATGATGAGAGTTTGGATTGGTTATGAAATGCAAATTAGGCCTTTTAACTCCTGTTCT
CGCTACTAAAATAGACATTTCCAATCAGTTGAAGGAGTTTATGAGAATTGGTTTCACTGCA
AAAGGCTCTGTAGTTTACAGCATAATCGTTGGCGATTGAGAACTTTCCGATTGCTTTCC
TCTCAAACGTCTTGGGATCATCAATCTGACGAAGGAGATTGCTTGTGTTTTCTGAG
GAAATAGGTGAGCATTCTTCTGCCCCGCATCATGGTAAAAGTTTACTGAAATTGATTTTTG
TATATGGTGGCTTAGCTGCAGTTGTTACACTTGTGTTGGTGTCTGGCTATTGTGTCTG
TTTTTGTGTTAAGGAGAAAAAAGGGATAGTAGTAGAGGGGATAATGAAGGCCAAATGT
GTAGATTACAAGGAAATCGAGTGCCTCAAAGATTGTCATTATCTGAAATAAATCAGCCA
CAGAAGGATTTAATAATGAAAGGATAATTGGTGAAGGAGGATCTGCTGTTGTATATGAAG
GAGATATTCCTTCTAAAGGAGCTGTTGCAATTAAGAGATTTGTTCAAGGGACTAGATTAG
GTCCTTACAGTATTCATTTAATACTGAATTTGCTTCAATGGTTGGTTGCTTAAAGACACAA
GAATCTGATTCAGCTCAAAGGATGGTGTGTGAGAGGAATGAGTTGGTTTTAGTTTATGA

ATTCATGCCTAATGGTAGCCTTAACAAAATCCTACACGAGCACTCGCATTGCTAAGTTT
TTGACGTGGGAGCGAAGGCTGAATATAGTTCTTGGCATTGCGTCTGCTCTGGTGTATT
GCATGAGGAATGTGAGAATCAGATAATTCATAGAGATGTGAAGACTTGAATATAATGCT
TGATGCTGAGTTCAATGCTAAGCTTGGGGATTTTCGGTTTAGCTGAAGTGTGATAATTC
TAGGACAAGGGATGCTACTGTACCAGCTGGAACAATGGGATATTTAGCTCCTGAATACG
TCTTTTCTGGCGTTCCAACGTGTTAAAACGGATGTGTATAGCTTTGGTGTGTTGGTACTAG
AAGTAGCATCAGGGAGAAAAGCCTATCGATGAATGTGGGGGTTTATTACTGATTGGGTG
TGGGATTTGTGGGAAAAGGGGAGGATAACTGAGGCTGCTGATCCAAAATAAATGGACG
CTTTCAGAAGAACGAGATGGATAGGGTGTCTCGTGTAGGACTTTCTTGTGTGCACCCTA
ATGAGGAGAAGAGGCCGAAAATGAGGGAAGTTGCCCGTATGCTTAAAGAAGAAGCTCCA
CTGCCCATTTTGCCTCAAAGAAACCAACTGTGAGAATCAATCTGTTTTACCAGAGGGA
TGTGAAGAAATCATGAATTGTGCTGGAAAATTGGAGGATAGCCCATGGGCAACTCCAAG
AACTCATTTTAGCAGGAATTAG

>NbS00007030g0016.1

MSKLFSCSIFFSFLYCALLVSAQNCSFDLESFTLRNFTLLGDSYLRNGVVGLTRELQVPSSSS
GSLIYNNPISFFDPESKKIVSFSTRFAFSVNNINPSSFGVTPFHSLIKNLKRLFAFSVNNINPSSF
GDGLAFFLSPDNQTLGSPGGFLGLVNSSLTKNKFVAVFEFDRQDLHFNDPDDNHVGLDID
SLISIKTANVKLAGVDLKLITSWIDYKSEEKQLLVFLSYSSSKSKKPLLTVDIDLSHYLKEFMYV
GFAASTEGLSTELHCINWSFQTFGFSPMRPRHNPVDNSVSVLKPPTIQEDSDNKHHKRL
GLGLGIAGPAFFCAVLVAFGWISLQKWRGLNTEKNLTAELVTGPRQFSYKELRSATRGFHSS
RIIGNGAFGTVYKAFFMDSSSIAAVKRSKHSHEKTEFGAELSIACL RHKLNVLQQLGWICIEK
ELLLVYDFMPNGSLDKVLYQESENGNPLKWPYRYNIAVGLASVLTYLHQECEQQVIHRDIKA
SNIMLDVSCII

>NbS00007030g0016.1 Corrected; GenBank ID: KT225337

MSKLFSCSIFFSFLYCALLVSAQNCSFDLESFTLRNFTLLGDSYLRNGVVGLTRELQVPSSSS
GSLIYNNPISFFDQESKKTVSFSTRFAFSVNNINPSSFGDGLAFFLSPDNQTLGSPGGFLGLV
NSSLTKNKFVAVFEFDRQDLHFNDPDDNHVGLDIDSLISIKTANVKLAGVDLKLITSWIDYKS
EEKQLLVFLSYSSSKSKKPLLTVDIDLSHYLKEFMYVGF AASTEGLSTELHCINWSFQTFGFS
PMRPRHNPVDNSVSVLKPPTIQEDSDNKHHKRLGLGLGIAGPAFFCAVLVAFGWISLQK
WRGLNTEKNLTAELVTGPRQFSYKELRSATRGFHSSRIIGNGAFGTVYKAFFMDSSSIAAVK
RSKHSHEKTEFGAELSIACL RHKLNVLQQLGWICIEKGELLLVYDFMPNGSLDKVLYQESEN
GNPLKWPYRYNIAVGLASVLTYLHQECEQQVIHRDIKASNIMLDVSYNARL GDFGLARLMDH
DKSPVSTLTAGTMGYLAPEYLQYGKATERTDVFSYGVVILEVACGRRPIEGEGSGHEMVNLV
DWVWRLYSEGRIEEEADKRLNGDFKEEEMRKL LVLGLSCANPDSMERPCMRRVFQILNNEA
EPIFVPKVKPMLTFSTSLPFSINDIFSDDEDNEAAPEPEFEIRVD

>NbS00007030g0016.1 Corrected; GenBank ID: KT225337

ATGAGTAAGCTTTTTCTTGCTCCATTTCTTCAGCTTCTTGTACTGTGCACTATTGGTAT
CAGCACAAAATTGCAGCTTTGATTTGGAATCTTTTACACTGAGAAATTTCACTTCTTGG
AGATTCTTATCTCAGAAATGGGGTTGTGGGTCTAACAAGAGAGCTTCAAGTTCCATCTTC
AAGCTCTGGTTCTCTCATTACAATAACCCCATTTTATTCTTTGATCAAGAATCTAAAAAG
ACTGTTTCTTTTCCACAAGATTTGCTTTTTTCAAGTCAATAACATCAATCCATCTTCAATTTGG
AGATGGTTTGGCCTTTTCTTTTACCTGATAATCAGACTTTAGGCAGTCCAGGTGGTTT
CTTGGGTCTGGTTAATTCATCACAATTAACCAAGAACAAGTTTGTGCTGTTGAGTTTGAC
ACTAGGCAAGATTTACTTTAATGATCCTGATGATAACCATGTAGGTCTTGATATTGATA
GCCTTATCTCAATCAAGACTGCTAATGTAAAGTTGGCTGGTGTGATCTCAAAGTGGA
ATTTGATTACTTCTTGGATTGATTACAAGAGTGAGGAGAAGCAGTTGTTAGTGTCTTGA
GTTACTCAAGTTCCAAGTCTAAAAACCACTCTTACTGTGGATATTGACCTGTCTCATT
TCTAAAGGAGTTTATGTATGTGGGGTTTGTGCTTCTACTGAGGGAAGCACTGAATTGCA
TTGATTGAGAATTGGAGTTTTCAAATTTTGGATTTAGTCTATGAGGCCAAGGCATAAT
CCCATGATGTGTCTGATAATTCTGTGTTAGTAAACCCCTACTATTCAAGGAAGATTCT
GACAATAAACATCATAAGAGGTTAGGTTTGGGTCTTGGAAATTGCTGGTCCAGCTTTCTTT
TGTGCTGTTCTTGTAGCTTTTGGTTGGATTTCTTTACAGAAATGGAGGGGCCTTAACACA
GAGAAGAATTTGACAGCTGAGCTTGTACTGGACCAAGGCAGTTTAGCTACAAGGAAT
GAGGTCAGCTACAAGAGGATTTTATTCAAGTAGGATCATAGGCAACGGCGCTTTTGGTA
CTGTTTACAAGGCCTTTTTCATGGATTGAGCTCTATCGCTGCAGTGAAAAGATCTAAGC
ACAGCCACGAAAGTAAACTGAGTTTCGGAGCTGAACTGTGATCATAGCATGTTTAAAGG
CACAAGAATTTAGTTCAAGTTGCAAGGGTGGTGCATTGAGAAGGGAGAATTACTTCTTGTG

TATGACTTTATGCCAAATGGGAGTCTTGATAAGGTACTATACCAAGAATCTGAGAATGGG
AATCCACTGAAATGGCCTTATAGGTATAATATAGCAGTTGGTTTGGCCTCTGTGCTGACT
TATTTGCATCAAGAATGTGAGCAGCAAGTGATTCACAGAGATATTAAGCAAGCAATATT
ATGCTTGATGTCAGCTACAACGCGAGGCTTGGCGATTTTTGGGTTGGCAAGACTTATGGA
TCATGACAAGAGTCCAGTCTCGACTCTTACAGCTGGAACAATGGGATACCTTGCTCCTGA
GTACCTTCAATATGGAAAGGCAACCGAGAGAACTGATGTTTTTCAGCTATGGCGTGGTTAT
ACTAGAAGTGGCTTGTGGGAGGAGGCCAATAGAGGGGAGAAGGGAGTGGTCATGAAATG
GTTAATTTGGTTGATTGGGTTTTGGAGGCTTACTCTGAAGGTAGGATAATTGAAGCAGCA
GACAAAAGGCTAAATGGTGACTTCAAAGAGGAAGAGATGAGAAAAGCTTCTACTTGTCCG
TTTAAGCTGTGCAAATCCTGATAGTATGGAAAGACCTTGTATGAGAAGAGTATTTTCAGAT
CCTCAACAATGAAGCTGAACCTATCTTTGTTCCGAAAGTGAAACCGATGCTAACTTTCTC
CACTAGTCTGCCTTTTCAGTATTAATGACATTTTCTCAGACGACGAAGACAATGAGGCAGC
ACCAGAACCTGAGTTTGAATCAGAGTAGATTGA

>NbS00020348g0007.1

MSKLFSCSIFFSFLYCALLVSSQNC SFDLQSFTLRNFTLLGDSYLRNGVVGLTRELQVPSSSS
GSLIYNPNPISFFDPESKKIVSFSTRFAFSVNNINPNVSVFFDPESKKIVSFSTRFAFSVNNINPS
SFGDGLAFFLSPDNQTLGSPGGFLGLVNSSLTKNKFVAVFDTWQDLHFNDPDDNHVGLD
IDSLISIKTANVKLAGVDLKSRLNITSWIDYKSEEKQLFVFLSYSSSKPKKPLLTVDIDLSDYLKE
FMYVGF AASTEGSTEMHC IENWSFQTFGFSPMRPRHNP HNVS DNSV LVK PPTIQEDSDNKH
NKRLGLGLGIAGPAFFCAVLVAFGWISFKKWRGLHTVKNLTAELVTGPRQFSYKELRSATRG
FHSSRIIGNGAFGTVYKAFFMDSSSIAAVKRSKHSKTESFGAELSIIACLRHKNLVQLQGW
CIEKGELLLVYDFMPNGSLDKVLYQSENGNPLKWPYRYNIAVGLASVLTYLHQECEQQVIH
RDIKASNIMLDVSYNARLEMRKLLLVGLSCANPDSMERPCMRRVFQILNNEAELIFVPKVKPT
LTFSTSLPFSINDIFSDDDEDNEAAPEPEFEIRVD

>NbS00020348g0007.1 Corrected; GenBank ID: KT225338

MSKLFSCSIFFSFLYCALLVSAQNC SFDLESFTLRNFTLLGDSYLRNGVVGLTRELQVPSSSS
GSLIYNPNVSVFFDPESKKIVSFSTRFAFSVNNINPSSFGDGLAFFLSPDNQTLGSPGGFLGLV
NSSLTKNKFVAVFDTWQDLHFNDPDDNHVGLDIDSLISIKTANVKLAGVDLKSRLNITSWI
DYKSEEKQLFVFLSYSSSKPKKPLLTVDIDLSDYLKEFMYVGF AASTEGSTEMHC IENWSFQTF
FGFSPMRPRHNP HNVS DNSV LVK PPTIQEDSDNKH NKRLGLGLGIAGPAFFCAVLVAFGWIS
LQKWRGLNTEKNLTAELVTGPRQFSYKELRSATRGFHSSRIIGNGAFGTVYKAFFMDSSSIA
AVKRSKHSKTESFGAELSIIACLRHKNLVQLQGW CIEKGELLLVYDFMPNGSLDKVLYQES
ENGNPLKWPYRYNIAVGLASVLTYLHQECEQQVIHRDIKASNIMLDVSYNARLGDFGLARLM
DHDKSPVSTLTAGTMGYLAPEYLQYGKATERTDVSYGVVILEVACGRRPIEGEGSGHEMV
NLVDWVWRLYSEGRIEEEADKRLNGDFKEEEMRKLLLVGLSCANPDSMERPCMRRVFQILN
NEAELIFVPKVKPTLTFSTSLPFSINDIFSDDDEDNEAAPEPEFEIRVD

>NbS00020348g0007.1 Corrected; GenBank ID: KT225338

ATGAGTAAGCTTTTTTCTTGCTCCATTTTCTTCAGCTTCTTGTACTGTGCACTATTGGTAT
CAGCACAAAATTGCAGCTTTGATTTGGAATCTTTTACACTGAGAAATTTCACTTCTTGG
AGATTCTTATCTCAGAAATGGGGTTGTGGGTCTAACAAGAGAGCTTCAAGTTCCATCTTC
AAGCTCTGGTTCTCTCATTTACAACAACCCCGTTTCATTCTTTGATCCAGAATCTAAAAG
ATAGTTTCTTTTTCCACAAGATTTGCGTTTTTCAGTCAATAACATCAATCCATCTTCATTTGG
AGATGGTTTGGCTTTTTTCTTTTACCTGATAATCAGACTTTAGGTAGTCCAGGTGGTTTC
TTGGGTCTGGTTAATTCATCCCAATTGACTAAGAACAAGTTTGTGCTGTTGAGTTTCGAC
ACTTGGCAAGATTTGCACTTTAATGATCCTGATGATAACCATGTAGGTCTTGATATAGATA
GCCTTATCTCAATCAAGACTGCTAATGTAAAGTTGGCTGGTGTGATCTCAAAGTAGGA
ATTTGATTACTTCTTGGATTGATTACAAGAGTGAGGAAAAGCAGTTGTTTGTGTTCTTGAG
TACTCAAGTTCCAAGCCTAAAAAACCCTCTTGACTGTGGATATTGACCTGTCTGATTAT
CTAAAGGAGTTTATGTACGTGGGGTTTGTGCTTCTACTGAGGGAAGCACTGAAATGCAT
TGATTGAGAATTGGAGTTTTCAAACTTTTGGATTTAGTCCTATGAGGCCAAGGCATAATC
CCCATAATGTGTCTGATAATTCTGTGTTAGTGAAACCCCTACTATTCAGGAAGATTCTGA
CAATAAACATAATAAGAGGTTAGGTTTGGGTCTTGGAAATTGCTGGTCCAGCTTTCTTTTGT
GCTGTTCTTGTAGCTTTTGGTTGGATTTCTTTACAGAAATGGAGGGGCCTTAACACAGAG
AAGAATTTGACAGCTGAGCTTGTTACTGGACCAAGGCAGTTTAGCTACAAGGAAGTCTGAG
GTCAGCTACAAGAGGATTTTCAATCAAGTAGGATCATAGGCAACGGCGCTTTTGGTACTGT
TTACAAGGCCTTTTTTTCATGGATTTCGAGCTCTATCGCTGCAGTGAAAAGATCTAAGCACAG
CCACGAAAGTAAAACCTGAGTTCCGGAGCTGAACTGTGATCATAGCATGTTTAAGGCACAA

GAATTTAGTTCAGTTGCAAGGGTGGTGCATTGAGAAGGGAGAATTACTTCTTGTCTATGA
CTTTATGCCTAATGGGAGTCTTGATAAGGTACTATAACCAAGAATCTGAGAATGGGAATCC
ACTGAAATGGCCTTATAGATATAATATAGCAGTTGGTTTGGCCTCTGTTCTGACTTATTTG
CATCAAGAATGTGAGCAGCAAGTGATTCACAGAGATATTAAGCAAGCAATATTATGCTT
GATGTCAGCTACAACGCGAGGCTTGGCGATTTTGGGTTGGCAAGACTTATGGATCATGA
CAAGAGTCCAGTCTCGACTCTTACAGCTGGAACAATGGGATACCTTGCTCCTGAGTACC
TTCAATATGGAAAGGCAACCGAGAGAACTGATGTTTTAGCTATGGCGTGGTTATACTAG
AAGTGGCTTGTGGGAGGAGGCCAATAGAGGGGAGAAGGGAGTGGTCATGAAATGGTTAA
TTTGGTTGATTGGGTTTGGAGGCTTTACTCTGAAGGTAGGATAAATTGAAGCAGCAGACAA
AAGGCTAAATGGTGACTTCAAAGAGGAAGAGATGAGAAAGCTGCTACTTGTCCGGTTTAA
GCTGTGCAAATCCTGATAGTATGGAAAGACCTTGATGAGAAGAGTATTTTCAAGATCCTCA
ACAATGAAGCTGAGCTTATCTTTGTTCCAAAAGTGAAACCGACGCTAACTTTCTCCACTA
GTCTGCCTTTCAGTATTAATGACATTTTCTCAGATGACGAAGACAATGAGGCAGCACCCAG
AACCTGAGTTTGAATCAGAGTAGATTGA

>NbS00029224g0003.1 GenBank ID: KT225339
MDYYYWYFFLFAVLVNLVASAPTGPVINVTKHISFQDFSSKNPRLKQDLTLLGSAIVSDEKST
VQIPDPEQEGDLKHLGRAIYSSPIRFFDPLSQTPASFETTFQFQVLKSNSSNWTSDLGES
VGGSGLTFIIVPELTVGRSGPWLGMLNDLCCDDYKSVAI EFDTRQNPEFGDPNDNHLGINL
GSIVSTAAINASDVG VQLNDGSIHRVWISYDQRRFIDIRLAPDGRGFPSKSVYSGFLDLSPY
LNEYMFVGFSAATGNLAQIHNVL SWNFTSVSQASLRIPSTETCQNKIMLQNNQTAETAHRKT
PNSFFIFLAVVILLVIVLVNLYFSSYKRDDNSSETIILPEKKQRPRPPNKARRFTIAEISVATRF
SELQILGSDEKSVTYKATMLNGCNVVKRFLTQFFNTHGFDKRRFHKEIKAISSIRHPNLVPV
RGWCYDNRETIVVYDIPNGSLDKWLFVGVLPWTRRFKVVKDLADSLVYLHSLQLAHKNV
KSSSAFLDVSFRAVMGDFGFVLT SAGSTRFESMVSQTADVFEFGVVVLETVAGRSRKS NPG
ERDLLDLAWAMHEVQQKETLVDRRMGAVVNLEQAIRVLDIGLLCTLNENKGRPTIEEVVEFL
NMEKPIPELPPGRPVCLFPYNSTTGLCSGYACTAF

>NbS00029224g0003.1 GenBank ID: KT225339
ATGGACTACTACTGGTACTTTTTCTGTTTGGCGTACTTGTTAATTTAGTTGCATCAG
CTCCAACCGGACCTGTAATTAACGTGACTAAGCATATTTCTGTTCCAAGATTTCAAGTTCAA
AAATCCAAGATTGAAGCAAGATCTTACACTTCTTGGCAGTGCTATCGTCTCAGATGAAAA
ATCAACAGTTCAAATTCCTGACCCTGAACAGGAAGGTGATCTTAAGCATTAGCAGGGCG
AGCTATATACTCTTACCTATTCGTTTCTTCGATCCTCTGTCTCAAACACCAGCTTCATTT
GAAACAACCTTCTCATTTCAAGTATTGAAGTCCAATTCGAGCAACTGGACATCA
GATCTTGGCGAATCTGTTGGTGGTAGCGGCCTTACTTTTATCATAGTCCCTGATGAATTG
ACAGTTGGCCGCTCTGGTCCGTGGCTTGGCATGCTCAACGATCTATGCGACGACGATTA
TAAGTCAGTAGCTATTGAGTTTGATACACGGCAGAATCCTGAATTTGGTGATCCAAATGA
CAATCACTTGGGCATCAATTTAGGAAGCATAGTTTCAACTGCAGCAATAAATGCTTCTGA
CGTTGGAGTCCAACCTGAATGACGGATCAATTCACAGGGTTTGGATATCTTACGATGGGC
AGAGGCGATTTATCGACATCCGTCTTGCACCTGATGGCAGAGGATTTCTTCTAAATCAG
TCTACTCTGGTTTTCTTGACCTCTCGCCTTACTTAAATGAGTACATGTTCTGATGATTTTC
AGCTGCAACTGGTAACCTTGCACAAATCACAATGTCCTGTCTGGAATTTCACTTCAGT
TAGTCAAGCTTCCCTTAGAATTCCTTCAACAGAGACATGTCAGAATAAATCATGCTTCAA
AATAATACCCAAGCTGAACTGCACATCGGAAAACGCCTAATAGTTTCTTTATTTTCTTGG
CTGTTGTCTATTCTTAGTAATTGTTCTTGTAAATCTCTATTTTAGTAGCTACAAGCGAGAT
GACAATTCAGTGAAACAATCATTCTGCCGAGAAAAAGCAAAGACCAAGGCCACCAAAA
TAAAGCACGTCGCTTACAATAGCCGAAATCTCAGTCGCAACAAGGAATTTCAAGTGAAGT
ACAAATATTGGGCAGTGATGAGAAGAGCGTTACTTATAAGGCTACGATGCTGAACGGGT
GCAATGTTGTTGTAACGATTTTTAACTCAGTTTTTCAATACCCATGGGTTTGACAAGCG
AAGATTTACAAGGAAATTAAGGCCATCAGCAGTATTCGCCACCCGAATTTGGTCCCGT
TAGAGGATGGTGCTATGACAACCGAGAACTATAGTTGTTTACGATTACATCCCAAACGG
TAGCCTAGACAAATGGTTGTTTGGTGTGCGGTGATTACCTTGGACGAGGCGTTTTAAGGT
TGTTAAAGATTTAGCAGACTCTCTTGTTTACCTACACTCGAAGCAACTTGCTCACAAGAAC
GTGAAAAGTAGCAGTGCGTTTCTTGACGTGAGCTTCAGAGCAGTGATGGGTGATTTTGG
ATTTGTGCTCACTTCGGCTGGGTCAACTCGGTTTGAAGTCCATGGTGAGTCAAACAGCAG
ACGTGTTTCGAGTTTGGAGTTGTTGTGCTAGAACTGTTGCGGGTCGGAGCAGGAAGTCC
AACCCGGGAGAACGTGACTTGTGGATCTTGCATGGGCCATGCATGAGGTACAACAGAA
GAAACGTTAGTGGATCGAAGAATGGGCGCGGTTGTAACCTGGAGCAGGCGATTCCG
GTATTGGATATCGGGTTGCTATGTACATTGAACGAGAACAAAGGAAGACCTACAATAGAA

GAAGTGGTAGAGTTCCTGAATATGGAGAAACCAATTCCTGAGCTGCCACCGGGTCCGACC
CGTTTGTGGTTCCCGTATAACAGCACACAGGTCTGTGCAGTGGGTACGCCTGCACTG
CATTCTAA

>NbS00001395g0006.1 GenBank ID: KT225340
MDYYYWFFFLFAVLINLVAAAPTGPVINVTKHIAFQDFSSKNPRLKQDLTLLGSAIVSDEKSTV
QIPDPEQEGDLKHLAGRAIYASPIRFFDPLSQTPASFETTFQFQVVKSNSSNGTSDLGKYV
GGSGFTFIIVPELTLGRSGPWLGMNLDCDDDYKSVVIEFDTRRNTEFGDPNDNHLGINLG
SIVSTAANASDVGVQLNDGSIHRVWISYNGQRRFIDIRLAPDGRGYPKSVYSGFLDLSPYL
NEYMFVGFSAATGNHTQIHNVLWNFTSVCQASLRIPSTETCQNQIMLQNNTQAETTHRKT
NSFFIFLAVVILLVIVLINLYFSSYKRNDNSSETIILPEKKQRPRPPNKARRFTIAEISVATRN
LQILGSDEKSITYKATMLNGCNVVKRFLTQFFNTHGFDKQRFHKEIKAISSIRYPNLVPLRGW
CYDNQETIVVYDYIPNGSLDKWLFVGVLPWTRRFKVVKDLADSLVYLHSLAHKLVKSSS
VFLDVSFRAVVGDFGVLTSAAGSTRFESMVSQTADVFEFGVVLETVAGRSRKSNGERDL
LDLAWAMHEVQKQKTLVDRRMGAVVNLEQAIRVLDIGLLCTLNENKGRPTMEEVVEFLNME
NPIPELPSGRPVCLFPYNSTTGLCSGYACTAFK

>NbS00001395g0006.1 GenBank ID: KT225340
ATGGACTACTACTGGTCTTTTTCTGTTTCCGCTACTTATTAATTTAGTTGCAGCAG
CTCCAACAGGACCTGTTATTAACGTGACTAAGCATATTGCTTTCCAAGATTTTAGTTCCAA
AAATCCCAGATTGAAGCAAGATCTTACACTACTTGGCAGTGCTATCGTCTCAGATGAAAA
ATCAACAGTTCAAATTCCTGACCCTGAACAGGAAGGTGACCTTAAGCATTAGCAGGACG
AGCTATTTATGCTTACCTATCCGTTTCTTTGATCCTCTATCTCAAACACCAGCTTCATTT
GAAACAACCTTCTCATTTCAATTTCAAGTACTGAAGTCCAATTCAGCAACGGGACATCA
GATCTTGGAAAATATGTTGGTGGTAGTGGCTTTACTTTTATTATTGTCCCTGATGAATTA
CCCTTGGCCGTTCTGGTCCGTGGCTTGGCATGCTCAACGATCTATGCGACGACGATTAC
AAATCAGTAGCTATTGAGTTTGATACGCGCCGGAATACTGAATTTGGTGTATCCAAATGAC
AATCACTTGGGCATCAATTTAGGAAGCATAGTTTCAACTGCAGCAATTAATGCTTCGGAC
GTTGGAGTCCAACCTCAATGACGGCTCAATTCACAGAGTTTGGATATCATAAATGGGCAG
AGGCGATTTATCGACATCCGTCTTGACCTGATGGCAGAGGATATCCTTCTAAGTCAGTC
TACTCTGGTTTTCTTGACCTCTCGCCTTACTTGAATGAGTACATGTTTGTAGGATTTTCA
CTGCAACTGGTAACCATACGCAAATCCACAATGTCCTGTCTGGAATTTCACTTCAGTTT
GTCAAGCTTCCCTTAGAATTCCTTCAACAGAGACATGTCAAAATCAAATCATGCTTCAAAA
TAATACACAAGCTGAAACTACACATCGGAAAACGCCTAATAGTTTCTTTATTTTCTTGT
GTTGTCACTTCTTAGTAATTGTTCTTATTAATCTCTATTTTAGTAGCTACAAGCGAAATGA
CAATTCAGTGAACAATCATTCTGCCCAGAGAAAAAGCAAAGACCAAGGCCACCAATAA
AGCACGTCGCTTACAATAGCCGAAATCTCAGTNCAATCATTCTGCCCGAGAAAAAGCAA
AGACCAAGGCCACCAATAAAGCACGTCGCTTACAATAGCCGAAATCTCAGTAGCAACT
AGGAATTTCAAGTGAAGTACAATATTGGGCAGTGACGAGAAGAGCATTACGTATAAGGC
CACGATGCTGAACGGGTGTAACGTGGTTGTAACGATTTTTAACTCAGTTTTTCAACAC
TCATGGATTTGACAAGCAAAGATTTACAAGGAAATTAAGGCTATTAGCAGTATTCGCTA
CCCAAATTTGGTCCCCCTTAGAGGATGGTGCTATGACAACCAAGAACTATAGTTGTTA
CGATTACATCCCAAACGGTAGCCTAGACAAATGGTTGTTTGGTGTGCGCGTCTTACCTTG
GACGAGGCGTTTTAAGGTTGTTAAAGATTTAGCGGACTCTTGTCTACCTTCACTCAA
GCAACTTGCTCACAAGAACGTGAAAAGTAGTAGTGTGTTTCTTGACGTGAGCTTCAGAGC
AGTAGTGGGTGATTTTGGATTTGTGCTTACTTCAGCTGGGTCAACTCGGTTTGTGATCCAT
GGTGAGTCAAACAGCAGACGTGTTTCGAGTTTGGAGTTGTTGTCTAGAACTGTTGCGG
GTCGGAGCAGGAAGTCTAACCCGGGAGAACGTGACTTGTGGATCTTGCATGGGCCAT
GCATGAGGTACAACAGAAGGAAACGTTAGTGGATCGAAGAATGGGCGCGGTTGTGAAC
CTGGAGCAGGCGATTCCGGTATTGGATATCGGGTTGCTATGTACGTTGAACGAGAACAA
AGGAAGGCCTACAATGGAAGAAGTGGTGGAGTTCCTGAATATGGAGAATCCAATTCCTG
AGTTGCCATCGGGTCGACCCGTTTGTGTTCCCCTACAACAGCACACAGGTTTGTGC
AGTGGGTACGCCTGCACTGCATTCAAATGA

S. lycopersicum LecRK sequences

>Solyc09g012000.1.1 GenBank ID: KT232153

MLPMLLNFLVLSLLFAPTSGEVDGFIYNGFKPSDVSLDGIANITPNGLLLLTDSKTQDQGHAF
YPNPIHFKNSPYGDASFSTTFVFAIRSDYRPLDGHGLVFVIAPQRRGIRKALANHYLGLFNSTR
NNGDKSNHVVGVEFDTIYSADFGDMNDNHVGDINGLRSVANHTAGYFDDHTGLFNFTLVS
GMAMQVWVDYDGITKLINVTVAPLHMEKPVTPLLSLKYDLSPILNQIMYVGFSSSTGSVPTHH
YILGWSFKANGKAQELSQLPSLPRLLGRKGASRFVTIGLPVISLVTIVVATLVVVCYVRRKKYEE
VLEDWEREYRQRFNYKDLYTATKGFREKELLGAGGFGKVYKGVMPVTKHEIAVKKISHES
RQGMKEFVSEIVSIGRMQHRNVVPLLGYCRRKGELLVYEFMSNGSLDKYLYDQPRLLTDW
NQRFRVIQGVASGLFFLHEECDRVVHRDIKASNVLLDGELNGRLGDFGLARLYGHGTDQPQ
STRVVGTLGYLAPEHTRTGRATPSSDVFSGAFLLEVACGRRPIEPRHDGDDLILVDWVWSC
WNRGNILEAVDPNLGNDVFGQVELVLSLGLFCSHSEPSFRPTMRQNVLFLEGGVVALPELSA
LGVSADLTFDHRGGFDDFIKSYPASSVNAHSPASSVAESLLSDGR

>Solyc09g012000.1.1 GenBank ID: KT232153

ATGTTACCAATGTTGTTAAATTTTGTCACTAGTGTCTCTCTTGTGGTGGCACTTCTG
GTGAAGTTGATGGATTCATTTACAATGGATTCAAACCAAGTGATGTTAGTTTAGATGGCAT
TGCTAATATTACCCCAATGGTCTTTTGTGTTAACAGATTCCAAAACACAAGATCAAGGC
CATGCTTTTTATCCAAATCCAATTCATTTCAAGAATTCACCTTATGGTGTATGCATTTTCATT
CTCTACAACCTTTGTGTTCCGCGATAAGGTCTGATTATAGACCATTGGATGGTGCATGGACT
AGTTTTTGTATCGCGCCACAGAGAGGAATTCGAAAGGCTTTGGCAAACCACTATCTTGG
TCTTTTTAACTCAAGAAATAATGGGGATAAATCAAACCATGTTGTTGGAGTTGAGTTTGT
ACAATATATAGCGCGGATTTTGGTGTATGAATGACAATCATGTTGGAATTGATATAAATG
GATTAAGGTCTGTAGCAAATCACACAGCAGGTTATTTTGTATGATCATACTGTTTTGTTTAA
TAACTTTACTCTGGTTAGTGGTATGGCAATGCAAGTTTGGGTGGATTATGATGGTATAAC
TAAGCTAATCAATGTGACAGTAGCTCCATTACATATGGAAAACCAAGTTACTCCACTTTTG
TCTTTGAAATATGATCTTTCCGCGATTCTTAATCAGATTATGTATGTTGGTTTTTCATCATC
AACTGGTTCAGTCCCAACACATCATTATATCTTAGGATGGAGCTTTAAGGCAAATGGGAA
AGCTCAAGAACTTTCTCAACTTCTAGTCTTCTCGTCTTGGGCGTAAAGGGGCATCAAG
ATTTGTAACGATTGGGTTACCAGTGTCTCTTTGGTTACAATTGTTGTAGCAACCTTGGTG
GTGGTTTGTATGTTAGAAGGAAGAAGTATGAAGAAGTTCTTGAAGATTGGGAACGTGAG
TATAGACCGCAAAGGTTCAATTATAAGGATTTGTACACTGCTACTAAAGGGTTCAGAGAA
AAGGAGCTGTTGGGAGCTGGTGGATTTGGTAAAGTTTATAAAGGAGTGTATGCCTGTAAC
CAAACATGAGATAGCTGTAAGAAGATATCTCATGAATCAAGACAAGGGATGAAGGAATT
TGTTTTCGGAGATTGTAAGTATAGGCCGATGCAACATAGGAATGTAGTACCCTTTTGGG
CTATTGTAGCGCAAAGGGGAATTACTTTTGGTTTATGAGTTTATGAGTTTATGAGTTTATG
AGATAAGTATTTATACGACCAACCAAGACTCACCTCGATTGGAACCAAGATTACAGAGT
CATTCAAGGTGTAGCATCAGGACTATTTTTCTACATGAAGAATGTGACCGTGTAGTGGT
TCATAGGGATATTAAGGCTAGTAATGTGTTGTTGGATGGTGAACCTAAATGGCAGGCTAGG
AGACTTTGGACTCGCGAGGCTATATGGTCATGGGACTGATCCTCAATCAACTCGTGTGCG
TTGGTACTCTTGGTTATCTTGCACCAGAGCATACTAGAAGTGGCAGGGCAACACCTAGTA
GTGATGATTTTTCTTTGGGGCTTTTCTGCTTGAAGTTGCGTGTGGTAGGAGGCCGATAG
AGCCAAGACATGACGGTGTATGATCTGATTTTAGTTGATTGGGTGTTTTCTGCTGGAATA
GAGGTAATATTCTCGAGGCTGTTGATCCAACTTAGGCAATGATTTTGTCCAGGGCAAG
TTGAGTTGGTCTTAAGTCTAGGCTTGTCTGTTCTCATTGAGAGCCCTCATTAGGCCAA
CCATGCGACAAAACGTGTTGTTCTTGAAGGTGTGGTGGCCTTACCAGAGTTATCAGCT
CTCGGTGTTTCATATGCTGACCTAACATTTGACCATCGCGGAGGTTTTGATGATTTTATCA
AGTCGTATCCAGCTTCTTCTGTTAATGCACATTCCCCCGCTTCATCTGTAGCAGAATCGC
TCCTTTCTGATGGCCGATGA

>Solyc09g011990.1.1 GenBank ID: KT232154

MLFNLVILVLSLFLVGIAPVSCVDHAFIYNGFQSQNLSDGIAEFTPDGLLLLTDSETQDQGHA
FYPNPIHFKNSTNGTVVSFSTTFVFAIRSDYGLSGHGLVFVIAPQRRRIQGALAYHYLGLFNST
NNGDRSNRVVGVELDTIYSEFGDINANHVGDINGLRSVAVETAGYFDNTGLFHNLTLISGQ
PMQVWVDYDGSTKQINVTVAPLHVEKPVSPLLSLKTDLSPILDQTMVYVGFSSSTGSVPYHYI
LGWSFKTNGKAQELSQLPNLPRLLGRKGTSRFVKIGLPLLSLVLLVATSMVYVYVRRKKYEE
LLEDWEREYRQRFMYKDLYTATKGFREKELLGAGGFGKVYKGVMPITNLEIAVKKISHESR
QGMKEFVSEIVIIGRLQHRNVVPLLGYCRRKGELLVYEMYSGGSLDKYLYNKPRFTLDWSQ
RFRVIRGVASGLFFLHEECDHVVHRDIKASNVLLDGELNGRLGDFGLARLYSHGTDQPQSTR

VVGTGLYLAPEHTRTGRSTPSSDVF SFGAFLLEVACGRRPIEPRQDDDDLILVDWVWFSCWN
RGNILEAVDLNVGIDFVPGEVEMVLKLGLLCSHKSYPRTMRQVLLFLDGVVALPELSSLGI
SAAGLTFDHHGGFDDFVTSYSSSINAHSRSPSVTDSFSLGGR

>Solyc09g011990.1.1 GenBank ID: KT232154

ATGTTGTTCAATCTTGTCACTAGTTTCTCTTTTCTTAGTTGGTATTGCACCAGTTTCTTG
TGAAGTTGATCATGCATTCATTTACAATGGATTCCAATCACAAAATCTTAGCTTGGATGGT
ATAGCAGAGTTTACGCCCGATGGTCTTTTGTCTGTTAACAGATTCTGAAACTCAAGATCAG
GGCCATGCTTTCTATCCGAATCCAATTCATTTCAAGAATTCAACTAATGGTACTGTAGTTT
CATTCTCTACAACATTTGTGTTCCGCATAAGGTCTGATTATGGAATTTTGTAGTGGTTCATGG
ACTGGTTTTTGTATCGCGCCACAGAGAAGAATTCAAGGAGCTTTAGCATACCACTATCT
AGGACTTTTTAACTCAACTAATAATGGGGATAGATCAAACCGTGTAGTTGGAGTTGAGCT
CGATACAATCTATAGCGAGGAATTTGGTGATATCAATGCCAATCATGTTGGAATTGATATA
AATGGATTAAGGTCTGTAGCAGTTGAAACAGCAGGTTATTTTGTATAACTGGCTTGTTC
ATAATTTGACTTTGATAAGTGGCCAGCCTATGCAAGTTTGGGTGGATTATGATGGCAGTA
CTAAGCAAATTAATGTAACAGTAGCTCCATTACATGTGGA AAAACCAGTTAGTCCACTTTT
GTCTTTGAAAACACTGATCTTTCGCCGATTCTTGATCAGACCATGTATGTTGGTTTTTTCATCA
TCAACTGGTTCTGTCCCAACATATCATTATATCTTGGGATGGAGCTTCAAGACAAATGGG
AAGGCTCAAGAACTTTCTCAACTTCCTAATCTTCTCGTCTTGGACGCAAAGGGACATCA
AGATTTGTAAAGATTGGTTTGCCATTACTCTCTTTGGTTTTACTTGTGTAGCAACCTCGA
TGGTGGTTTACTATGTTAGAAGGAAGAAGTATGAAGA ACTTCTTGAAGATTGGGAACGCG
AGTACAGACCACAAAGTTTTATGTACAAAGATTTATACACTGCCACTAAAGGATTCAGAG
AAAAGGAGCTGTTGGGAGCTGGTGGATTTGGTAAAGTTTACAAAGGAGTAATGCCTATC
ACCAATCTTGAGATAGCTGTAAAGAAGATATCTCATGAATCAAGACAAGGGATGAAGGAA
TTTTGTTTCGGAGATTGTGATCATAGGTCGTCTACAACACAGGAATGTAGTACCACTTTTG
GGTTATTGCAGGCGGAAAGGAGAGTTGCTTTTGGTTTTATGAATACATGTCTGGTGGAAAGT
CTAGACAAATATTTATACAACAAACCAAGATTCACCCTTGATTGGAGCCAAAGATTTCAGA
GTTATTAGAGGTGTAGCATCAGGACTATTTTTCTACACGAAGAATGTGACCATGTAGTG
GTTCATAGGGACATTAAGGCTAGCAATGTCTTGTGGATGGTGA ACTAAATGGTAGGCTA
GGAGACTTTGGACTTGCAGGCTATATAGTCATGGTACCGATCCTCAGTCTACTCGTGT
CGTTGGTACACTTGGTTACCTTGCACCAGAGCATACTAGA ACTGGCAGGTCAACACCTA
GTAGTGATGATTTTTCTTTGGTGCTTTTCTGCTTGAAGTTGCCTGTGGTAGGAGGCCTA
TAGAGCCAAGACAAGACGATGATGATCTGATTTTAGTCGATTGGGTTTTCTCATGCTGGA
ATAGGGGTAATATTCTTGAGGCTGTTGATCTAAACGTAGGGATCGATTTTGTCCAGGGG
AAGTGGAGATGGTCTTAAAGCTAGGCTTGTCTGCTCTCATTCAAAGCCCTCGTATAGGC
CAACCATGCGACAAGTCTTGTGTTCTTAGATGGTGTGTTGTGGCCTTACCAGAGTTATCAT
CACTCGGTATTTTACAGCAGCCGGCCTAACATTTGATCATCACGGAGGTTTTGATGATTTTG
TCACGTCTATTCTTCGATTAATGCACATTCCCGTTCTCCATCTGTAACAGACTCCTT
TCTCTCTGGTGGGCGATGA

>Solyc09g011060.2.1 GenBank ID: KT232155

MFFNFLFILVALFLLDFSPASCEVDAFIFNGFQSANLSLDGIAQFKSNDLLLLNSGTQNQGHAF
YPNPIHFKNSSNGTVFSFSTTFVFAIRSDYGNLSGHGLAFVIAPHKGLQGSLANHYLGLFNSS
NNGNTSNHVVGVELDTIYSEDFGDINDNHVGDINGLRSVAIHTAGYFDDTDLFHNLTLISGQE
MQWIDYDGRTKQMDVTVAQSHMEKPVRPLLALKYDLSSILDQTMVYVGFSSSTGSVPHTHY
ILGWSFKTNGKAQELSQLPKLPRLGTKGTSRFVTIGLPIISLVSLVA AVLAVVYVVRKKKYEEIH
EDWEREYRLQRFKYKELYIATKGFREKELLGAGGFGKVYKGVMPPTTKLEIAVKKISHESRQG
MKEFVSEIVSIGRMQHRNVVPLLYCRRKGELILY EYMSNGSLDKYLYDQPRYTLDWNQRF
RVIRGVASGLFFLHEECDHVVVHRDVKASNVLLDGELNGRLGDFGLARLYGHGTDQPQSTRV
VGTGLYLAPEHTRTGRATPSSDVF SFGAFLLEVVCGRPIQPRQDGD LILVDWVWFSCWNR
GNILDAADPNIGIDFVPGQVELVLKLGFLC SHSEPSRPTMRQILLFLDGVVALPELSELGVSS
ANLTFEHRGGFDDFVKSYPSSLGYAYSGSPSVTDSFSLGGNVGDHIALLKVYNSWKETNFS
TQWCYDNYIQVRSMKRARDIRDQLEGLLERVEIKLTSNVNDLEAIKKCITSGFFPHARLQKA
GSYRTVKHPQTVNIHPSSGLSQELPRWVVYHEQVLT SKEYMQQVTELKPEWLVEIAPHYYQ
LKDVEDSSSKKMPRGIGHAP

>Solyc09g011060.2.1 GenBank ID: KT232155

ATGTTCTTCAATCTTTTCATACTAGTAGCTCTCTTCTTACTTGATTTTTACCTGCTTCTTG
TGAAGTTGATGCATTCATTTTCAATGGATTTCAATCAGCTAATCTTAGCTTGGATGGCATA
GCACAGTTCAAATCTAATGATCTTTTGTGTTAACAAATTCTGGAACACAAAATCAGGGCC

ATGCTTTTTATCCAAATCCAATTCATTTCAAGAATTCATCAAATGGTACTGTATTTTCTTTCTTC
TCCACAACCTTTTGTGTTTCGCGATAAGGTCTGATTATGGAAATTTGAGTGGTCATGGACTA
GCTTTCGTCATCGCGCCACACAAAGGACTTCAGGGGTCTTTGGCAAATCACTATCTTGGT
CTTTTAACTCTAGTAATAATGGGAATACATCAAACCATGTCGTTGGAGTTGAGCTCGATA
CAATCTATAGCGAGGATTTTGGTGATATCAATGACAATCATGTTGGAATTGATATAAATGG
ATTGAGGTCTGTAGCAATTCACACAGCAGGTTATTTTGTGATACTGATTTGTTTCATAAC
TTGACTTTAATTAGTGGCCAGGAAATGCAAGTTTGGATCGATTACGATGGGAGGACTAAG
CAAATGGATGTAACAGTAGCTCAATCACATATGGAAAACCAGTTAGACCACTCTTGGCT
TTGAAATATGATCTTTCGTCGATTCTTGATCAGACTATGTATGTTGGTTTTTCATCGTCAA
CAGGTTCACTCCCAACGCATCATTATATCTTGGGATGGAGCTTCAAGACAAATGGGAAA
GCGCAAGAAGCTCTCGCAACTTCCTAAGCTTCTCGTCTTGGGACTAAAGGGACATCAAG
ATTTGTAACGATTGGTTTGCCTATAATCTCATTGGTTTCACTTGTTCAGCTGTCTTAGCG
GTGTTTTATTATGTAAGAAAGAAGAAGTATGAAGAAATTCATGAAGATTGGGAACGCGAG
TATAGACTACAAAGGTTTAAAGTATAAAGAATTGTACATTGCTACTAAGGGATTCAGAGAAA
AAGAGCTATTGGGAGCTGGAGGATTTGGTAAAGTTTATAAAGGAGTGATGCCTACCACC
AACTTGAGATAGCTGTAAAGAAGATATCTCATGAATCGAGACAAGGGATGAAGGAATTT
GTTTCGGAGATTGTAAGCATTGGTTCGATGCAACACAGGAATGTAGTACCCTTTTGGGT
TATTGCAGGCGAAAAGGGGAGTTGATTTTATTACGAATACATGTCAAATGGAAGTCTA
GACAAGTATTTATACGATCAGCCAAGATACACCCTCGATTGGAACCAAAGATTCAGAGTC
ATTAGAGGTGTAGCTTCGGGACTATTTTCTACACGAAGAATGTGATCACGTAGTGGTT
CATAGAGATGTTAAGGCCAGTAATGTCTTGTAGATGGTGAACATAATGGCAGGTTAGGA
GATTTTGGACTCGCTAGGCTGTATGGTCATGGGACCGATCCTCAGTCCACACGGGTTGT
TGGTACTCTTGGTTACCTTGCACCAGAGCATACTAGAAGTGGCAGGGCAACACCTAGTA
GTGATGTTTTTTCATTTGGGGCATTCTGCTTGAAGTTGTCTGTGGTAGGAGGCCGATAC
AGCCAAGACAAGACGGTGATGATCTGATTTTGGTTCGATTGGGTGTTCTCGTGTGGAAATA
GGGGTAATATTCTTGATGCTGCTGATCCGAACATAGGCATTGATTTTGTCCAGGGCAAG
TGGAGTTGGTCTTAAAGTTAGGCTTGTCTGTTCTCATTGAGAGCCCTCGTGTAGGCCAA
CCATGCGACAAATCTTGTGTTTTTGGATGGTGTGGCCTTACCAGAGTTATCAGAAC
TCGGTGTTCATCAGCTAACCTAACATTTGAACATCGCGGAGGTTTTGATGATTTGTCAA
GTCGATCCATCTTCTTTGGGCTATGCATATCCGGTCTCCATCTGTAACAGACTCCTTT
CTCTCTGGTGGCCGGTGATTAATAATGATTGAACCTGGTAAACATAATCTTGTTTTGGT
GGATTATGTAAGTATAAATTAGATTTAATCTACACATTATAGAACAGTTTCATAACATTTAA
ATGATTCAGGCTTTGATAGTACAGTTTACAATGGAACAATACACAGAGTTAAGTATTCC
TGACTTATTTTTCTTTCATTTGTTATGTTTTACCTATCTAATCAATAACCGTTTATGACTG
ATCACTCGCCATTAACCTCGGTTTTGTGTATAATCATTATATAGAAGAGATGGCCGAGT
GATTTAAGGCGTAGCATTGGTTAATAGGAATCAAGTTATTCATTGGAATCAATTCATTGTG
ATGAAGGCTCTATATTTGCCTTCTCAGATGTTGAATGTTAATGAGTTTATGATGATTTTAT
ATGTTGACAATGACAAACTGCAAACCACAAAGCACTTTTACTGTTATCAGCTAGTTTTTC
TATCTCATTCCGATGGGGGATTTGCCTAAGCTATCTTACATATCCCTCTTCTCAGAAGCT
TGTCAGTCTACTAGTCCCTACTTTTTTACTAGCCAAGTACGTTGAAATTTCTTTTGTATGG
GTGGCAGTGTGATTAGGTCTCAGGACCTCTGTCTGCTCTGATATCATGTTGAAGTGTATG
ACAATCTTAATTATCTAAAAGTTTAAAGTTGTTAGAGAGAACACATTTTTATTAATTAATTGT
ATTCTCAGCTGACATCGCCCTAACCCACAGTGTCTGTTATATACATCCACACACATGAAGTG
CACCTATATGCAAATTTCTACTGTTAATTAGAGGTTTTAATGATTCATTGTAATTCATTT
TGCAAGAGGACCCTGAAAAGAAGTGCCAAAAATATCAAATTTAGATGCCAAAGCTTAGTA
ATATTTTGTGAAATTTGCTGTGAAGGGAATATTTTGGTAGGAAAATTTTGGTGGTATAGA
ACCCGCTACATTGAATTTTACTTTCATGGACCCTCCACCATCAGAAGCTTTACTTAAAGC
ACTCGAAGTCTCTTTGCCCTCGGTGCCCTTAATAAGCTTGGAGAGTTAACAACAATAGG
TAGAAGAATGGCAGAGTTTCTCTAGATCCCATGCTGTCCAAGACGATCGTTGCCTCTGA
CAAATACAAGTGTCTGATGAAATTATAAGTATTGCTGCAATGCTTTCTGTGGGGAATTC
ATCTTTTATCGTCCAAAGGACAAACAAGTCCACGCTGACAATGCACGTTTGAATTTTCATA
CAGGCAACGTTGGAGATCATATCGCACTGTTAAAGGTTTATAATTCCTGGAAGGAGACAA
ACTTCTCAACACAGTGGTGTACGACAATTACATCCAGGTCCGAAGCATGAAGAGAGCT
AGGGATATCCGAGATCAATTGGAAGGCCTGCTGGAGAGAGTAGAAATTAAGTTAACTTC
AAATGTTAATGACTTAGAAGCTATAAAGAAGTGTATAACATCAGGATTTTTCCACACACG
GCGAGACTACAAAAGGCTGGATCTTATCGAACTGTTAAACATCCTCAAACAGTTAACATT
CACCCAGCTCAGGTTTATCTCAGGAGCTTCTAGATGGGTTGTGTACCATGAGCAGGT
CTTGACGAGTAAGGAGTATATGCAACAGGTTACTGAACTGAAACCAGAATGGCTTGTAGA
AATAGCTCCTCACTACTATCAGTTGAAAGATGTTGAAGACTCTAGCTCAAAGAAAATGCC
TCGCGGAATTGGACATGCACCTTAG

>Solyc09g005000.1.1 GenBank ID: KT232156
MDNPYCLVILALIFCPILVRAQSFDFAYNGFNNSNIIRDGVAIINSSGALKLTNRSYNVIGHAFH
PNPVPINFSSTKNVTFSSTYFVFAIVPLEKTSGGFGFAFTLSPSPGFPGAQGDHFLGVVNIMN
DGNDTNHIFMVEFDTVNGHNEGVDTDGNHIGVNRNGMSPTASKSADYYVNDSSAVAEQVNL
QSGESIQAVIDYDGMASKVVNVTISPITVPKPGRPLISEVVDLSTVLNETMYAGFSAATGDKAS
SHYILGWSFRLNGAADPLELVKLPVAPPEVVTSSKNSHLKRALIGTFCSVILLGAFYIYTRM
RQHEVLEDWELDCPHRFYRHLKATKGFQESELIGVGGFGAVYKGVLPNTNGAEVAVKKIS
SNSLQGMREFAAEIESLGRRLRHKHLINLQGWCKNKNDLLLVDYVVPNGSLDSSLYRQKRDIV
LTWEQRFNIIKGAAGLLYLHEEWEQVVIHRDVKSSNVLIDGEMNGRLGDFGLARLYDHGKN
SHTTNVVGITIGYIAPELTRTGKASTSTDVYAYGVLLLEVASGRPPIVYEPGKGLVLADWVIEC
LQLGNILDAVDQRLNSVYVDKEVQMIFRLGLVCSHPRPEARPTMRQVMKYLNQDESPLVFE
QQLSCIGSDRVEITAKFLEVFSTDTINISRRSLSVGQISSSSLSHSGR

>Solyc09g005000.1.1 GenBank ID: KT232156
ATGGACAATCCCTATTGCCTAGTTATTATTCTTGCAATTGATCTTTTGCCTATTCTTGTGA
GAGCTCAATCTTTTGATTTTGCTTACAATGGATTCAATAACTCAAATATCATTAGAGACGG
AGTAGCAATAATCAATTCAAGTGGTGCACCTAAGCTCACTAATAGATCATATAATGTTATA
GGTCATGCTTTCCACCCCAATCCTGTACCAATTTTCAACTCCAGTACTAAAAATGTTACTT
CATTTAGTACATACTTCGTCTTCGCCATCGTCCCTCTTGAGAAAACCTCTGGTGGCTTTG
GCTTTGCTTTACCTTATCTCCATCCCCGGGTTTTCCGGGTGCTCAGGGTGATCATTTTC
TTGGAGTCGTCAACATTATGAACGATGGCAATGATACTAACCACATCTTCATGGTTGAAT
TTGACACTGTGAATGGTCACAATGAAGGTGTAGACACAGATGGAAATCACATTGGGGTC
AACAGAAATGGCATGAGCCCTACAGCGTCAAATCAGCTGACTACTATGTTAATGATTCT
GCTGTAGCGGAGCAGGTAATCTACAAAGTGGAGAATCAATCAAGCTTGATTGATTAT
GATGGAATGAGCAAAGTGGTGAATGTAATATCTCCATAACAGTTCAAAGCCAGGT
AGGCCTCTGATCAGTGAGTTCGTAGATTTTACTGTGTTGAACGAAACTATGTATGCT
GGTTTCTCAGCAGCCACGGGAGACAAAGCGAGCTCTCATTACATCTTGGGTTGGAGTTT
TCGGTTGAATGGAGCTGCTGATCCTTTAGAGCTTGTAAGCTACCTGTTGCCCCACCTGA
AGTGGTAACATCATCCAAGAATCCCATCTCAAAGGGCCTTGATCGGAACATTTTGCTC
CGTCGTTATCCTGCTCCTTGGGGCATTTTACATCTATAACAAGGATGAGGCAACATGAAGT
TCTAGAGGACTGGGAGCTGGATTGTCCTCACAGGTTCCGATATAGACATCTTACAAGG
CAACTAAGGGATTCCAGGAGAGTGAATAATTGGAGTTGGTGGATTTGGTGTGTTTACA
AGGGTGTTTTGCCTACTAATGGAGCAGAAGTTCAGTGAAGAAGATATCGAGCAATTCTC
TTCAAGGAATGAGAGAATTTGCAGCGGAGATCGAAAGCTTAGGCAGGTTAAGGCACAAA
CACTTGATCAACCTTCAAGGCTGGTGCAGAACAATAATGATCTTCTCCTAGTGTATGAC
TATGTCCTCAAAATGGAAGTCTTGATTACTTTACAGACAGAAGAGGGACATTGTTTTAA
CATGGGAACAGAGATTTAACATCATCAAAGGGATTGCTGCAGGGCTTCTTTACTTGCATG
AAGAATGGGAACAAGTGGTAATACATCGCGATGTGAAAAGCAGTAACGTCCTTATTGATG
GGGAATGAATGGCCGGTTAGGGGATTTTGGGTTAGCAAGATTATACGACCATGGCAAG
AATTCACACACAACAATGTTGTTGGCACAATAGGGTACATTGCACCAGAATTGACACGG
ACAGGGAAGGCCTCAACGAGCACGGATGTGTATGCATATGGTGTACTACTTCTTGAAGT
AGCTAGTGGAAAGACCTCCTATTGTCTATGAACCAGGGAAAGGAGCTTTAGTACTAGCTG
ATTGGGTGATTGAATGTTTACAACACTAGGTAATATTCTTGATGCAGTTGATCAAAGGTTGAA
TTCAGTGTATGTAGATAAAGAGGTTCAAATGATTTTCAGACTTGGGCTTGTGTTCTCAC
CCAAGGCCAGAAGCTAGGCCAACAATGAGACAAGTAATGAAGTACCTCAATGGAGATGA
ATCACTTCCAGTTTTTGGAGCAACAGTTGAGTTGTATTGGATCTGATAGGGTTGATGAAAT
CACAGCCAAGTTCTTGAAGTGTGTTTCTACTGATACAATCAATATATCACGTCGTTTCGCTA
TCCGTCGGACAGATATCATCTAGTTCCTCATTCTGGTTCGATGA

>Solyc02g078170.1.1
MNQFYPKILLSYLLALFSCNQSVAEEDFVFNQKQSDVSIFGNVTIESRILTLSDSTFSIGRA
LYPSKIVTKEANSSKVLFPSTSFIFAMAPYRDRLPGHGIVFLVPHTGIDGTTSAQNLGFLNFT
NNGNPDNHVFGVEFDVFNQEFNDINENHVGIDVNSLASEFAHEAGYWPDEKIKYNSDGLS
NEESLETLLKLNNGRNYQVWIDYVDFNISVTMAPVGMKRPKQPLLDLHNLNSQVFEEMYVG
FTAATGELAQSHKILAWSFNSNSFSIGDGLITQGLPSFELPEDPVYRSKGFAGMTVSLFLV
VIASWFLIKRNRMRKREDMEDWELEYWPHRITYQEIDAATKGFADENVIGIGNGKVY
KGVLAGGSEVAVKRISHQNSEGARQFLAEISSLGRKQRNLVSLRGWCKKDRGSMFVYDY
MENGSLDKRLFESNDRNMLSFEDRIRILKDVASGVLYLHEGWKAVLHRDIKASNVLDRDM
NARLGDFFGLARMHDHSQVASTTRVVGTVGYLAPEFAKTGRASTQTDVFGYGVLMIVMCG

RRPIEEEKPLVDWLWELMSRGLINAFDSRLRTNQDFNEEEALRVLQLGMICASLDAKAR
PSMRQVVKFFDRNNDIDEYETEDMDAYLLESLSRNTMLSNFSLSLSHGSHPTFDEIREGASF
D

>Solyc02g078170.1.1 Corrected; GenBank ID: KT232157
MNQFYPKILLSYLLALFSCNQSVAEEDFVFNQKQSDVSIFGNVTIESRILTLSDSTFSIGRA
LYPSKIVTKEANSSKVLFPSTSFIFAMAPYRDRLPGHGIVFLVPHTGIDGTTSAQNLGFLNFT
NNGNPDNHVFGVEFDVFNQEFNDINENHVGIDVNSLASEFAHEAGYWPDEKIKYNSDGS
NEESLETKLNNGRNYQVWIDYVDFNISVTMAPVGMKRPKQPLDFHLNLSQVFEEMVYV
FTAATGELAQSHKILAWSFSNSNFSIGDGLITQGLPSFELPEDPVYRSKGFAGMTVSLFLV
VIASWFLIKRNRMRKREDMEDWELEYWPHRITYQEIDAATKGFADENVIGIGGNGKVY
KGVLAGGSEVAVKRISHQNSEGARQFLAEISSLGRKQRNLVSLRGWCKKDRGSMFVYDY
MENGSLDKRLFESNDRNMLSFEDRIRILKDVASGVLYLHEGWKVLHRDIKASNVLDRDM
NARLGDGFLARMHDHSQVASTTRVVGTVGYLAPEFAKTGRASTQTDVFGYVGLIMEVMCG
RRPIEEEKPLVDWLWELMSRGLINAFDSRLRTNQDFNEEEALRVLQLGMICASLDAKAR
PSMRQVVKFFDRNNDIDEYETEDMDAYLLESLSRNTMLSNFSLSLSHGSHPTFDEIREGLSS
SMSISWTNSLVDGR

>Solyc02g078170.1.1 Corrected; GenBank ID: KT232157
ATGAACCAATTTTATCCAAAATTCTTCTTTCTTATCTGTTATTAGCCCTATTTTCTTGTA
CCAATCAGTTGCAGAACTGATTTTGTCTTCAATGGCTTCAAACAATCAGATGTGTCAATA
TTTGGGAATGTTACAATTGAATCAAGAATTCTTACTCTTCAAATGACTCAACTTTTTCAAT
TGGTAGAGCTCTGTACCCTTCAAAGATTGTTACAAAAGAAGCTAATTCATCTAAAGTTCTT
CCTTTTCAACATCTTTCATTTTTGCAATGGCTCCTTACAGAGACAGGCTACCGGGACAT
GGTATAGTTTTCTGTTTGTCCACACACAGGTATTGATGGTACTACTTCTGCACAGAATT
TAGTTTTCTTGAATTTTACAAATAATGGGAATCCTGATAATCATGTGTTTGGGGTTGAGTT
TGATGTTTTCAAGAATCAAGAGTTTAAATGATATAAATGAGAATCATGTTGGAATTGATGTT
AATTCTCTTGCATCTGAGTTTGTCTCATGAAGCAGGATATTGGCCTGATGAGAAAATTAAG
TATAATAGTGATGGTAGCCTAAATGAGGAGTCTTTAGAGACTTTGAAGTTGAACAATGGA
AGAAATTATCAAGTTTGGATTGATTATGTTGATTTCAACATTAGTGTAAGTATGGCACCAG
TTGGTATGAAAAGGCCTAAGCAGCCTTTGTTGGATTTTACCTAAATCTTTCCAGGTTTT
TGAGGAAGAGATGTATGTGGGGTTTACAGCAGCCACTGGAGAGCTTGTCAAAGTCACA
AGATTTTAGCTTGGAGCTTTAGTAACTCGAATTTTTCGATAGGTGATGGTTTGTACACACA
AGGGCTGCCTTCATTTGAGCTTCTGAGGATCCAGTTTATCGATCGAAGGGATTCAATTGC
AGGTATGACAGTGTCACTCTTGTCTTGTGTTGTGGTCATTGCTGTAGCTTCATGGTTTTG
ATTAAGAGAAACAGGAGAATGAAAAAGGAAAGAGAGGATATGGAAGATTGGGAATTTGGA
ATATTGGCCACATAGGATTACTTATCAAGAAATTGATGCTGCAACAAAGGGTTTTGCTGA
TGAATATGTGATTGGAATTGGAGTAATGGGAAGGTTTATAAAGGGGTTTTGGCTGGGG
GTTCCGAGGTTGCAGTAAAGCGCATTCTCACCAAACAGTGAAGGAGCAAGGCAATTC
TTGGCTGAGATTTGAGTCTTGGTAGGCTAAAGCAAAGAAATTTGGTGTCTTAAGAGGG
TGGTGAAGAAAGATAGAGGCAGTATGTTTGTGGTTTATGATTATATGGAATGGGAGC
TTGGATAAAAGACTGTTTGAATCTAATGACAGAAACATGCTTAGTTTTGAAGACAGAATTA
GGATTTTGAAGACGTGGCATCAGGGGTGCTATACTTGCACGAGGGATGGGAGGCAAA
AGTGTGACAGGGACATTAAGGCTAGCAATGTTTTACTTGCACAGGGACATGAATGCAA
GGCTAGGTGATTTTGGTCTAGCTAGAATGCATGATCATAGTCAAGTGGCTAGCACGACT
CGAGTTGTTGGCACGGTGGGATACTTGGCACCAGAGTTTGCCAAGACTGGCCGTGCCT
CCACACAAACCGATGTGTTTGGATATGGAGTACTAATTATGGAGGTGATGTGTGGAAGG
AGGCCTATAGAGGAGGAAGGCAAGCCGCTTTAGTGGATTGGCTGTGGGAATAATGA
GCCGAGGCGAATTGATTAACGCCTTTGATAGTCGATTAAGGACTAACCAAGATTTCAATG
AAGAGGAAGCTTTAAGGGTGTGCAATTAGGCATGATATGCGGAGCCTAGACGCCAAA
GCTAGGCCAAGCATGAGACAAGTGGTGAATTTCTTTGACAGGAATAATGATATTGATGAA
TATGAAACGGAGGACATGGATGCTTACCTTCTAGAGAGTTTGGAGATCTAATACCATGTTG
TCCAATTTTTCGTTGAGTTAAGCCATGGTTACATCCAACATTTGATGAAATTAGAGAAG
GTTTGTCTTCTTCATGTCAATTTCTTGGACAAATCACTGGTGGATGGTAGATGA

>Solyc10g084250.1.1 GenBank ID: KT232158
MTSNLEKKIRDFLWVIFLLCFCSISSTFGKTDFFENLTLSSLKLLGDAHLSNNIVKLTRDLAV
PNSGAGKVLVSKPVRFPQPGDFPASFFSTFFSVTNLNPSSIGGLAFVLTPGDELVDGAG
GYMGILDAKGTQIGTIAVEFDLMDVEFKDINGNHVGLDLNSMISTEVGNLDSIDIDLKSGDLV
NCWIDYSGSNGEMDIFVSYTNLKPESFLSVNINLAEYVNDFMFVGFSASTQGSTIEHNIVW

WSFSSSFDATPNSGAVVAEPPPPANSLMNPTADSVPLPPPSMAPSESNSSKGVLEKSSRK
CHSNFCRQPGAVVGVVTAGAFFLAFATLVLWLYSKRFKRVKNSEIVASDIKMPKEFSYKE
LKLATKGFIPTRIIIRGAFGTVYKILSDTGGIVAVKRCSHNGQGKAFFLSELSIIGTLRHRNLV
RLQGWCHEKGEILLVYDLMPNGSLDKVLFESRMVLSWSHRRKILIGVASALAYLHQECENQV
IHRDIKSSNIMLDEGFNARLGFDFLARQVEHDKSPDATVAAGTMGYLAPEYLLTGRATEKTD
VFSYGAVVLEVATGRRPIERETTKVEKVRVNSNLVEWVWGVHREGNLLNAADSRLCGEFDE
QEMRRVLMIGLACSHPDPTARPTMRSVVQMLEGESDPIVPRTRPSMSFSTSHLLMSLQDSV
SDLNGLITLSPSSSESSFTGGHNGNCNGMELV

>Solyc10g084250.1.1 GenBank ID: KT232158

ATGACTTCAAATCTTGAAAAAATCAGGGACTTTCTCGTATGGTTCATCTTATTGCTCT
GTTTCTGTAGTATTAGTTCAACATTTGGTAAAACGATTTTCGATTTTAAAAATTAACATTG
AGTAGTTTAAAGCTTCTTGGTGATGCACACTTGAGTAACAACATTGTAAAGTTGACACGT
GATCTTGCTGTACCAAATCCGGTGCCGGAAGTTCTGTATTCAAACAGTAAGATTCC
CAGCAACCGGGGTTTGATTTCCGGCGAGTTCTCGACATTCTTTACATTTTCAGTTACTA
ATTTGAACCCATCGTCGATTGGTGGCGGTCTTGCTTTTGCTTACGCCGGGTGATGAG
TTAGTAGGTGATGCTGGTGGGTATATGGGAATCTTGGATGCTAAAGGGACACAAATTGG
TACAATTGCTGTGGAATTTGACACCCTTATGGATGTTGAATCAAAGATATTAATGGAAAT
CATGTTGGTTTGGATCTAAATCAATGATTTCAACTGAAGTTGGTAATTTGGATTCCATTG
ATATTGATCTCAAGAGTGGTGAATTTGGTTAATTGTTGGATTGACTATTCTGGTTCTAATGG
AGAGATGGATATATTTGTGTCATATACTAATCTCAAGCCAAAAGAATCATTTTTATCAGTT
AATATCAATCTTGCTGAGTATGTAATGATTTTCAATGTTTGTGGGGTTTTCTGCTTCAACTC
AAGGGAGTACTGAGATTGATAATATTGTGTTGGTGGAGTTTCAGTTTATCATTTGATGCAA
CTCCTAATTCGGGGGCGGTGGTGGCTGAGCCACCACCGCCAGCGAATAGTTTATGAA
CCCAACTGCAGATTCTGTCCCGTTGCCACCGCCTTCTATGGCTCCATCAGAGTCTAATAG
TAGCAAAGGTGATTGCAAGAAAAGAGTAGTAGGAAATGTCATAGCAATTTTTGTAGACA
AGGACCTGGAGCTGTTGTTGGTGTGGTACTGCTGGTGCATTTTTTCTTGCATTTGCTAC
ATTGGTACTTATTTGGTTATACTCCAAAAGATTCAAGAGAGTGAAAAATTCTGAGATTGTG
GCATCTGATATCATCAAAATGCCTAAGGAGTTGAGCTATAAAGAGCTTAAATTGGCCACG
AAAGGTTTTCATTCCAACGAGAATTATAGGCCGTGGTGCATTTGGGACTGTTTACAAGGGC
ATTTTATCGGATACCGGAGGCATTGTGGCAGTCAAGAGATGTAGTCATAATGGACAAGG
GAAAGCAGAGTTCTTATCTGAATTATCTATAATTGGAACCCTTAGGCACAGAAATCTTGTG
AGGCTTCAAGGATGGTGTGATGAGAAAGGTGAAATTTTGTGGTTTATGATCTTATGCCT
AATGGGAGTCTTGATAAGGTGCTATTTGAATCAAGAATGGTTCTTTCATGGTTCGCATAGG
CGAAAAATCTTGATAGGTGTTGCTTCTGCCTTGGCATATTTGCATCAAGAATGCGAAAAAC
CAGGTGATTCATAGGGACATTAAGAGTAGTAACATTATGTTGGATGAAGGGTTCAATGCA
AGATTAGGAGATTTTGGATTAGCAAGACAAGTAGAGCATGACAAGTCCCCCGATGCAAC
GGTAGCAGCCGGGACAAATGGGCTACTTGGCTCCAGAGTACTTGTTAACCAGGTAGAGCAA
CCGAAAAAATGATGTTTTTCACTATGGAGCAGTGGTTCTTGAAGTGGCTACTGGAAGG
AGGCCAATTGAGAGGGAAACAATAAAGTTGAGAAAGTTAGAGTGAATAGCAACTTGGTT
GAATGGGTATGGGGGGTGCATAGAGAAGGGAATTTACTAAATGCAGCTGATTCAAGACT
CTGTGGTGAGTTTGTGATGAACAAGAAATGAGAAGGGTTCTAATGATTGGGCTAGCTTGTTC
ACATCCCGACCCTACGGCTAGACCAACAATGAGAAGTGTAGTCCAATGCTGGAAGGTG
AATCTGATATCCCAATTGTCCCAAGAATACTAGACCTTCTATGAGTTTTAGCACATCACATCT
TCTAATGAGTTTGAAGATAGTGTCTCTGACTTGAATGGGTTGATCACACTTTCCCTTCA
TCATCCGAAAGTAGCTTACCAGGGGGTCACAATGGCAATTGCAATGGCATGGAGTTGGT
CTAA

>Solyc09g007510.1.1

MDVEFKDINGNHVGLDLNSMISTQVGLDLSIGVDLKSGLVNSWIDYFGSTKKNLYVSYSN
LKPKEPFLSVTIDISEYVNDFMFVGFSGSTQGSTEIHSIEYWSTSSFDTPNPKSPPAAVAEQP
PPPPTASLMNPTADVTTSVTSPPEQQQIAPAEANGTANAVQKNSSKCHSSFCKQGAGAVV
GVVTAGAFFLALATLVLWLYSKFKFKVKASETMLPSDIKMPKEFSYKELKIATKGFDSRIIG
HGAFGTVYKILSETGDIVAVKRCSHNGQGKAFFLSELSIIGTLRHRNLVRLQGWCHEKGEIL
LVYDLMPNGSLDKALFESRMILSWQHRQKILLGVASALAYLHQECENQVIHRDIKSSNIMLDE
GFNAKLGFDFLARQIEHDKSPDATVAAGTMGYLAPEYLLTGRATEKTDVFSYGAVVLEVASG
RRPIDKETTSGVGLNSNLVEWVWGLHKDGSLLSAVDSKLNLEYDEKEMTRVLLVGLACSH
PDPIARPTMRGVVQMLVGEAEVPIVPRAKPSMSFSTSHLLMTLQDSVSDLNGMITLSTSSSE
NSFNGGGVVGGHDMDLV

>Solyc09g007510.1.1 Corrected; GenBank ID: KT232159
MEIYSLLVLLCFFAALAAATEFDSGTLTLSSLKLLGDAPFLAVPNSGAGKVLVSKPVKFRQP
GIDFPASFSTFFSFSVSNLNPSSIGGGGLAFVITPDDESIGDSGGYLGILDAEGGQNGNFVFEF
DTLMDVEFKDINGNHVGLDLNSMISTQVGLDLSIGVDLKSGLVNSWIDYFGSTKKNLYVSY
SNLKPKEPFLSVTIDISEYVNDFMFVGFSGSTQGGSTEIHSIEYWSFTSSFDTPKSPAAVAE
QPPPPPTASLMNPTADVTTSVTSPPPEQQQIAPAEANGTANAVQKNSSKCHSSFCKQGAGA
VVGVVTAGAFFLALATLVLWLKFKHVKASETMLPSDIKMPKEFSYKELKIATKGFDSSTRII
GHGAFGTVYKILSETGDIVAVKRCSHNGQGKAFFSELSIIGTLRHRNLVRLQGWCHEKGEI
LLVYDLMPNGSLDKALFESRMILSWQHRQKILLGVASALAYLHQECENQVIHRDIKSSNIMLD
EGFNAKLGDFGLARQIEHDKSPDATVAAGTMGYLAPEYLLTGRATEKTDVFSYGAVVLEVAS
GRRPIDKETTTSVGLNSNLVEVWVGLHKDGSLLSAVDSKLNLEYDEKEMTRVLLVGLACS
HPDPIARPTMRGVVQMLVGEAEVPIVPRAKPSMSFSTSHLLMTLQDSVSDLNGMITLSTSSS
ENFNGGGVVGHDGMDLV

>Solyc09g007510.1.1 GenBank ID: KT232159
ATGGAGATTTACTCATTACTAGTTGTATTGCTCTGTTTCTTTGCTGCTTTAGCTGCTGCCA
CTGAGTTTGTATTCTGGTACTTTAACTCTTAGTAGTTTGAAGCTTTTAGGCGATGCCCCATT
CCTTGCTGTTCCAAATTCTGGTGCCGAAAAGTTTTGTATTCTAAACCAGTAAAGTTCCG
GCAGCCGGGTATTGATTTCCGGCGAGTTTCTCTACGTTTTTCTCGTTTTCTGTTAGTAAT
TTGAATCCTTCATCGATTGGAGGTGGGTTGGCTTTTGTATCACGCCGGATGATGAATCG
ATTGGTGATTCTGGTGGCTATTTGGGGATTTTGGATGCAGAAGGAGGGCAAATGGGAA
TTTTGGAGTTGAATTTGATACACTTATGGATGTTGAATTTAAAGATATTAATGGTAATCATG
TGGGGTTAGATTTAAATCAATGATTTCAACTCAGGTTGGTGATCTTGATTCTATTGGTGT
TGATTTAAAAGTGGTGATTTGGTTAATTCTTGGATTGATTATTTGGTTCAACAAAAAAT
TGAATCTTTATGTTTCATATTCTAATCTTAAGCCAAAAGAACCATTTTTGTCTGTTACAATT
GATATTTCTGAATATGTAATGATTTTCTGTTTGTGGGGTTTTCTGGTTCAACACAAGGGA
GTAATGAGATTCATAGTATTGAATATTGGAGTTTCACTTCATCATTGATACAAATCCTAA
ATCTCCGCCTGCAGCGGTGGCGGAGCAGCCTCCGCCCCCGCCAACGGCTAGTTTGTATG
AACCCACGGCGGATGTAACACATCCGTCACATCGCCCCCTCCGGAGCAGCAACAGAT
TGCTCCGGCGGAGGCTAATGGTACTGCTAATGCAGTACAGAAAACAGCAGCAAGTGTC
ATAGTAGTTTTTGAAGCAAGGTGCTGGTGTGTTGTTGGGGTTGTTACTGCTGGAGCAT
TCTTTCTAGCTTTAGCTACATTGGTACTTATTTGGTTGATTTCGAAAAAATCAAGCATGT
GAAGGCTTCAGAGACTATGTTGCCTTCTGATATTATCAAATGCCTAAGGAATTTAGTTAT
AAGGAGCTTAAAATCGCGACGAAAGGGTTTTGATTGACTAGGATTATAGGGCATGGTGC
ATTTGGTACTGTCTATAAAGGGATTTTGTCCGAGACTGGTGATATTGTTGCGGTAAAGAG
GTGTAGCATAAATGGACAAGGGAAAGCTGAGTTCTTTTTCTGAATTATCGATAATCGGAAC
ACTTAGACATAGAAATCTTGTAGACTACAAGGATGGTGTGTCATGAGAAAGGTGAAATCTT
GTTAGTTTATGATTTGATGCCAAATGGTAGTCTTGACAAGGCGTTATTCGAGTCGAGAAT
GATCCTCTCGTGGCAACACAGGCAAAAATCTTGTAGGTGTTGCTTCTGCATTAGCATA
TTTACATCAAGAATGCGAAAACCAGGTGATACATAGGGATATCAAGAGTAGTAACATCAT
GTTGGATGAAGGGTTCAATGCAAAGTTAGGAGATTTTGGACTAGCACGACAAATCGAAC
ACGACAAGTCCCCCGATGCAACGGTAGCAGCCGGTACAATGGGGTATTTAGCACCAGAA
TACTTGTAAACAGGTAGAGCAACTGAGAAAATGATGTGTTTAGTTATGGGGCAGTGGTT
CTTGAAGTGGCAAGTGAAGGAGGCCTATTGATAAAGAAACAACAAGTGGTGTGG
ATTAACAGCAATTTGGTTGAATGGGTGTGGGGATTACACAAAGATGGGAGTTTACTATC
AGCAGTTGATTCAAAATGAATCTTGAGTATGATGAAAAAGAAATGACAAGAGTGTGTTA
GTTGGTTTTGGCTTGTTCACATCCTGACCCTATAGCTAGGCCAACAATGAGGGGGGGTGGT
ACAAATGTTAGTAGGTGAGGCTGAAGTACCAATTGTACCAAGGGCTAAACCATCAATGAG
TTTTAGCACATCTCATTTGTTAATGACATTGCAAGATAGTGTCTGACTTGAATGGTATG
ATCACACTTTCACTTCTTCATCAGAAAACAGTTTCAATGGTGGTGGTGTGTTGGTGA
CATGATGGAATGGACCTAGTTTAG

>Solyc03g043710.1.1 GenBank ID: KT232160
MSSNVCCIALFIASLLIPFVNSVFSQISRFDPVIDILYEGDAVASVGEVEFNKANYLCRVAHAI
YREKVPLWDPDHDSTKLADFSTRFSFTIDTQNRSSYGHGIAFFLAPVGFRIPPNSDGGFLGLF
NTTSDSAQSQIVSVEFDTFSNVEWDPPEFHVGINNNSIASSVTAPWNVSLHPIETWITYNAT
TNNLSVIWNYGTGPNSSMFYIINLRDVLPPVWTIGFSAATGLNVERHTLESWEFSSSLVITEL
GGNDREKIGLIAGLTTLGGILLVSAILALIVLRKRRRNVKGNPETISLTSFNDDLEKAGPRKFS
YKELDTSTNHFSEERKLGEGGFGEVYKGYLIDLIAVAVKKISRGSKQKKEYITEVKVISRLR
HRNLVQLIGWCHDQGEFLLVYEFMPNGSLDFHLFGKRNPPLSWTMRYKISLGLASALLYLHEE

GGTAACGGTAGTTTTGCTGATGGACTAGCCTTTTTCTTAGCTCCTGTTGGTTCGAGTATT
CCAGTTGGTTCGTCTGGCAGTGGCCTTGGTCTTGTTAAAGCTGAGACAGAAAACATGCC
ATCATATGAGTCATTTGTTGCTATAGAGTTCGATACATTTGTTAATACCTGGGACCCTTTT
GGCATAACATGTAGGCATCAATATAAATTCTATGGAATCTGTTGCTACTAAAATATGGGTAA
ATGACATTAACCTTGGGAAGAAAATGATGCTTGGATTAGTTACAATGCTAGTTCCAAGG
TTCTTGAAGTTGTTTTACAGGATTTGAGAAAAATATAATCGAGACAACTAAGCTACGC
CGTTGATCTGAGGGATTATTTGCCTGAGAATGTTAGTTTTGGCTTCTCAGCATCAACTGG
ACAATTGTTTCAGAAAAACAATGTCAAGTCTTGGGATTTCAATTGAGTTTTGATGCTATC
ATAGTTCCAGAACATGTCAATCAGCCTAGTGCAAGTCCTCTATACAACTTCAAGATCCA
AAAAATCATCCTATTCAAGGTCAAACCTCAAATGATCCTCCAATTACTCATGTTCAAGAAC
CAAAGGGTCTCTCTCAAAAAGTACTCAGGACCTCGGGAAAAGGAAGCAAGGGACTAGTA
GTTGGATCAAGCATAGGATTACCTATTCTGATTCTTGGTTTGATAACTGCCAGTTGCATTT
TGTGGAGGAAAAAGAGAAAAGGAGATGAGAAAAGAAAATGTCTTCATTGATCTAGATATGG
ATGATGAATTTGAAAAGGTTACCGGTCTAAGAAGTTCTCGTATGGTGAATTAGCTCGTG
CAACAAACAACCTTTGCTGAGGGACAGAACTTGGTGAAGGAGGATTTGTTGATGTTTATA
AAGGTTTATTGAAGGAATGTAACCTCATATGTAGCTGTTAAGAGAGTATCAAAGGGTCTA
AACAAAGGATAAAGGAGTATGCATCAGAAGTAAGATCATCAGTCGATTAAGGCATAGA
AATTTGGTTCAACTTATCGGTTGGTGCCACGAGAAAAGAGAAGCTGCATCTTGTTTACGAA
CTGATGCCCAATGAGAGCCTAGATAAACATCTTTTCAAAGAAAAGTCATTGTTGGTCTGG
GAAATCAGGTGGAAAATTGCTCAAGCAATTGCCTCAGCTTTACTGTATCTACACGAAGAG
TGGGAACAATGCGTAGTCCATAGAGACATAAAAGCAAGTAATGTCATGTTGGATTCAAAC
TTCAACGCTAAATTAGGTGATTTTGGGTTGGCTAGGCTTATTGACCATGACAAAGGATCA
CAAACAACGATGCTAGCAGGGACCGTGGGGTATATGGCACCGGAATGTATTATGAATGG
AAAAGCTAGCAAGGAGTCAGATGTATACAGCTTTGGAATAGTAGCATTGGAAATAGCAAG
TGGAAGAAGATCAATAAATATTAAGCACCAGAAGATCAAGTGAAGATTGTTGAATGGGT
GTGGAGCCTGTATGGAACGGGAGAGCTAGTCGAAGCAACTGATCCAAGATTGAATAAAA
TGTTAATGAGAAAAGAAATGGAACGTTAATGGTCATCGGTCTATGGTGTGCTCATCCAG
ACAACAACCTGAGGCCATCAATAAGGCAAGCTATCCATGTTCTAAACTCTGAAGCTCAAT
TACCAAATCTTCCATCAAGAATGCCAGTTGCAACATATTCACCCCTCCATTGAATATGTT
TTCCTCTCCATTTTCAAATACTTATGAAGTTAGTATGCAGGAGCAGACTATGACTTACACT
GTTTCATCAAGTGTCTATACTTCGTCAGCTGCTTCATCGACAAAATCACTTTTGTA

>Solyc10g047810.1.1 GenBank ID: KT232162
MASFAYLVCLLLIIPFVNSLSFNFDNFNTNDQNLTYEADAYPANSVIQLTKNQDRDSASNDSIGR
VTYSEALYLWDKASRNLTDFTHFSFGINSQGRNNYADGLAFFLAPAGSRIPDNSAVGGSLG
LAVSGQNTSRNHSFVAVEFDTFKNFYDPKGDHVGVDINSMVSVVNVTFWFSSIPNGKRTDA
WITYNSTSKNLSVVFVTFGQQGNTTLTVLQNLVYNIDLREYLPEWVTFGFSGATGLFALQTI
YSWNFTSSLKHNDNITDPDVPLRPVPEDTSSKNKSLVIGLISGGCVLVALSVIILFAFRKR
KVREDEDEDEDDIIDGSMTEFERSTGPKKFLYSELVRCTNNSFREMLGQGGFGGVYKG
YLSENSYIAVKRVSRESKQGIKEYASEVRIISRLRHKHLVQLIGWCHQKRELLLVYEFMPNG
SLDYHLFKGRSHLTWPIRFKIAQGLASALLYLHEWEQIVVHRDIKSSNIMLDSNFNAKLGDF
GLARLVHDKESQTTVLAGTMGYMAPECVTTGKASKETDVYSFGVVVLEIGCGRKSIENKAE
EHQVNIQWVWRLYGMGNLREAVDPRLSSEFNEEEMEHLIVGLWCSPDNNCRPSIRQAI
QVLNLEAPLPNMPVPTYCSRSQYGSTTSFTSPYDSNAPWNSEIQSSVTRDYTGSSNNT
AASASSPSASLLYTC

>Solyc10g047810.1.1 GenBank ID: KT232162
ATGGCTTCTTTGCATACCTTGTGGTCTTTTATTAATAATCCCCTTTGTCAATTCATTGTC
CTTCAATTTTATAGTTTTAACACAAATGATCAGAATTTAACATATGAAGCAGATGCATAT
CCAGCAAACAGTGTAATTCAGCTCACCAAAAACCAGCGAGATAGTGCTTCAAATGATAGC
ATAGGCAGAGTCACATATTCAGAAGCTCTCTATCTTTGGGACAAGGCCTCTAGGAATCTC
ACTGATTTACAACGCATTTCTCCTTTGGGATCAACTCACAGGGCAGAAATAATTACGCT
GACGGTCTTGCCTTCTCCTTGGCTCCTGCAGGTTCAAGAATCCTGATAACTCAGCCGTA
GGAGGCAGCCTTGGCCTTGCAGTTAGTGGTCAACAAAATACATCGAGAAATCACTCTTTT
GTTGCTGTGGAGTTTGCACCTTTAAGAACTTTTATGATCCAAGGGTGATCATGTAGGT
GTAGATATCAACTCTATGGTATCTGTTGTTAATGTGACCTGGTTTAGTAGCATTCAAATG
GTAAGAGAACTGATGCCTGGATTACTTATAATTCAACTTCAAAAATCTTAGTGTGTCTT
CACCGGTTTCAAACAACAAGGTAATACTACACTCACAGTCCTGCAGAACCTATCTTACAA
TATTGATCTGAGGGAATATTTGCCAGAATGGGTCACTTTTGGCTTCTCAGGTGCAACAGG
AACTCTCTTTGCATTACAAACCATATACTCTTGAATTTTACTTCTTCTTAAAGCATAATG

ACAATATAACAGATCCAGATGTGCCCTACCAAGACCTGTGCCAGAGGATACTTCAAGC
AAAAATAAGTCAGGACTAGTGATTGGATTGATTTCTGGCGGTTGTGTTTTGGTAGCACTA
TCTGTTATAATATTGTTTGCATTTAGGAGAAAGAGGAAGGTGCGAGAAGATGAAGATGAA
GATGAAGATGATGATATTATTGATGGTTCCATGACTAATGAATTTGAAAGAAGCACAGGA
CCAAAGAAGTTTTTGTACAGTGAGTTGGTCAGATGTACAAATAACTTTTTCGCGGGAAGAG
ATGCTTGCCAGGGCGGGTTCGGAGGTGTTTATAAAGGATATCTCAGTGAATCCAACTC
CTATATTGCTGTTAAGAGGGTTTCAAGGGAGTCAAAGCAAGGAATAAAAGAGTATGCATC
AGAAGTCAGGATCATCAGCCGGTTAAGACATAAACATTTGGTGCAACTCATTGGTTGGTG
CCATCAAAAAGAGAAGCTTCTACTTGTCTACGAGTTTATGCCTAATGGAAGCTTAGATTAC
CATCTTTTCAAAGGAAGAAGCCATTTGACATGGCCAATAAGATTCAAGATTGCTCAAGGT
TTGGCCTCAGCGTTGCTTTATCTACACGAAGAATGGGAACAGATTGTGGTTCATAGGGA
CATAAAGTCCAGCAATATTATGTTGGATTCCAATTTAATGCTAAACTTGGGGATTTTGGT
TTAGCTAGGCTAGTTGACCATGATAAGGAATCCCAAACAACAGTTTTGGCAGGCACGAT
GGTTACATGGCTCCTGAATGTGTCAACACTGGCAAAGCTAGCAAGGAAACAGATGTCT
ATAGCTTTGGTGTGTCGTGTTGAAATAGGTTGTGGAAGGAAATCTATTGAAAATAAAG
CTGAGGAGCATCAAGTAAATATTATCCAATGGGTTTTGGAGACTTTATGGGATGGGAAATC
TTCGTGAAGCAGTTGATCCTAGACTCTCATCAGAGTTCAATGAAGAGGAGATGGAGCAC
TTGCTAATTGTTGGCTTATGGTGTCTCATCCAGATAATAATTGCAGACCTTCTATAAGGC
AAGCAATTCAGGTGCTTAATTTAGAAGCTCCGTTGCCATACTCCCTCCAAACATGCCTG
TACCGACATATTGCAGTCGGTCACAATATGGATCAACTACTTCTTTTACATCACCGTATGA
CTCCAACGCTCCTTGAATTCTGAAATACAGTCTTCAGTGACTAGAGACTACACTGGTTC
TTCAAATAACACAGCAGCTTCTGCATCATCTTCGCCTTCAGCATCACTTCTGTACACATGT
TGA

>Solyc10g047680.1.1 GenBank ID: KT232163
MVVFASLSSLKYFLLIPLVTSLSFNFDTFPNDHNVYERDASPENGETKYGDGFAFFLAPA
GSTIPYNTTRGGSLGLTSNNERLNL SINHFVAVEFDTYQNPYDPKGDHMARKLMPGLTIILYR
KILLSSLVFNHKRIISVTVLQNL SYNLDLREYLPEWVTFVFTDGAGRFRALQRIYSWNFTSSL
DNMTDTGVTL SNIKPEDAPTKLRLVVG LICGGSVLVAVCTLVLF FWRKSKEEMLGRGGF
GGVHKGYLSESTLIFHEKRELLLVYEFMPNSSLDTHIFSRKIHLEWPIRFKISQGLASALLHLHE
EWEQCVVHRDIKSTNIMLDSNYNAKL GDFGLARLVEHGK GSETTVLAGTMGYMAPECVTTG
KANKETDVYSFGIVVLEIGCGRKPIDPKAEEHQVNIVDWWRLYEMIKSSLSIQVLNFEAPLPT
LPRNLPVPTYCSFSRHLPTISVSSKHETNFTETALAQIQHSVNKNNSHSSINKTSSSSTSVLYP
SQCCAVITLNFVFR

>Solyc10g047680.1.1 GenBank ID: KT232163
ATG GTT G T T T T T G C C T C T T T A T C T T C T C T C A A A T A C T T C C T T C T T A T C C C T T T A G T C A C T T C
A C T C T C C T T C A A T T T T G A T A C T T T T A C A C C C A A T G A T C A C A A T G T T A C C T A T G A G A G A G A T
G C T T C T C C A G A A A A T G G T G C A A T T C T A A T C A C C A A A A C C T C C T C A A T C A T G A T T T A A T G C
T A G T A T T G G T C G A G C T A T A T A T T C A A A A C C A C T C C A T C T C T G G G A C A A G G C C T C C C A A A A
T C T C A C T G A T T T C A C T A C A C A T T T C T C C T T T A G C A T T A A T T C A C A G G G A G A A A C T A A A T A T
G G T G A T G G T T T T G C C T T C T T C C T C G C C C T G C A G G T T C A A C C A T T C C T T A T A A C A C A A C A
A G A G G T G G A A G T C T T G G C C T T A C A A G T A A T A A T G A A C G A C T A A A T T T A T C G A T T A A T C A T T
T T G T T G C G G T A G A G T T T G A T A C C T A T C A G A A C C C G T A T G A C C C A A A G G G T G A T C A T G T A G
G T A T C G A T A T C A A C T C A A T G C A A T C T C T T G T T A A T G T G A C T T G G T T T A G T A G C A T T C C G A A
T G G C A C G A A A A C T G A T G C C T G G A T T A A C T A T A A T T C T A T A T C G A A A A A T C T T A C T G T T G T C
T T C A C T G G T T T T C A A C C A C A A G A G A A T A A T A T C A G T C A C T G T C C T G C A G A A T C T T T C T T A C
A A T C T T G A T C T G A G G G A A T A T T T G C C A G A A T G G G T C A C T T T T G T C T T C A C T G A T G G A G C A
G G A A G G A G A T T T G C A T T A C A A G A A T C T A T T C T T G G A A T T T T A C T T C T T T A G A T A A T A T
G A C A G A T A C A G G G G T G A C C T T A T C A A A C A T C A A G C C A G A G G A T G C A C C A A C A A A A A C T A
A G T T A A G A C T T G T A G T T G G A T T G A T T T G T G G T G G T A G T G T T T T G G T T G C A G T A T G T A C T T T
G G T A T T A T T T G C T T T T T G G A G A A A G A G T A A G G T C A G A G A A A A T G A T T A G G T C T T T G A T G G
T T C C A T G A C T A A T G A A T T T C A A T A A G T G C A G G A C C A A G A A G T T C T T G T A C A G T A A G T T G
G T T A A A T G T G C A A A T A A T T T T C A C A G G A A G A G A T G C T T G G G C G G G G T G G A T T C G G A G G
T G T T C A T A A G G A T A T C T C A G T G A A T C A A C T C T T A T A T T G C T T T T A A G A G G G T T T C A A G G G
A G T C A A A G C A A G G A A T A A A A G A G T A T G T A T C A G A A G T C A G G A T C A T C A G C C G G C T A A G A
C A A T A A A C A T T T G G T G C A A C T C A T T G G T T G G A G C C A T G A G A A A A G A G A A C T T C A C T T G T
T T A T G A G T T T A T G C C T A A T A G T A G C T T A G A T A C C C A T A T T T T C A G T A G A A A A A T T C A T T T G
G A A T G G C C A A T A A G A T T C A A G A T T T C T C A A G G C T T G G C C T C A G C G T T G C T A C A T C T A C A T
G A A G A A T G G G A A C A A T G T G T G G T G C A T A G G G A T A T A A A G T C T A C C A A T A T T A T G T T G G A T

TCTAATTACAATGCCAAGCTTGGGGATTTTGGGTTAGCTAGGCTAGTTGAACATGGTAAG
GGATCTGAAACAACAGTTTTAGCAGGCACAATGGGTTACATGGCTCCTGAATGTGTCAC
CACTGGTAAAGCTAACAAGGAAACAGACGTCTATAGCTTTGGTATTGTCGTGTTAGAAAT
AGGTTGTGGAAGGAAACCTATTGATCCTAAAGCAGAGGAGCATCAAGTAAACATTGTCG
ATTGGGTTTGGAGACTTTATGAGATGATAAAATCTTCTTTAAGCAGCTAATCCGAAACTAT
CATCAGAGTTCAATGAAGAGGAGATGGAGTATTTGCTAATTGTTGGCTTATGGTGTGCTC
ATCCAGATAATAATTGCAGGCCTTCTATTAGGTAAGCAGTTCAAGTGCTTAATTTGAAGC
TCCATTACCCACCCTCCCTCGGAACCTTGCCTGTGCCACATATTGCAGCTTCTCACGCCA
TCTTCCAACCTATTTAGTTTCATCAAACATGAAACCAACTTTACAGAAACCGCCCTTGCC
CAAATCCAGCATTAGTAAACAAAAACAATAGTCATTCTTCAATAAACAAAAACATCTTCAT
CTTCAACCTCAGTTTTGTATCCAAGTCAATGTTGCGCTGTTATAACCTTGAATTTTGTCTT
CCGTTAG

>Solyc10g047700.1.1 GenBank ID: KT232164
MDCVMDIMVDKNQPAFVPGSVFPDKHFAAGEGLGLACVDQYSSKNHHFVAIEFDIFTNYY
DPRGDHNL SYILDMKEYLLEWVTLGFSSAIAIFYAIHTIYSWNFTSSLNNGNITYPDIPIPCVL
NLYVPLQSLVLPNPNVPLPRPMLNPDVPLPSHVEDTSKKKKLVRYTNNFSREKFLGQGGFG
YVCKRYMKESNSYIDVKGISRETNQEIKEYASEVRIIRLTHKHMVQLIGRCHQKRELLHVYEF
MPNGSLDYNLYKGQSHFTCTIRFKNSEGTMCCRDLCEVTTSKASKETDIHSFSFVALEIAYG
RKPSDPKAEHQNIVDWVWKLYRIENISDAVDLRLLS

>Solyc10g047700.1.1 GenBank ID: KT232164
ATGGATTGTGAATGGATATCATGGTGGATAAAAATCAGCCAGCCTTTGTACCAGGTATA
TTATATTGGATTTTTAATCTTTCTTATTTAGCGTGAATAAAAATTTTACAAAACCTTCAAAT
GGATATATATGAATTGTTAGTGGATGCATAGATTCTATCATCTATAGTTATCCATATGCC
TCTTGACACATCTAGTATAGCATAACAAAAGGGACAAGGCCAAAAGTATACAATGACAAAA
ATCCCTAAGACATATTTAACTAACTAAGGACTATAACTCATTTTATTGTATTTTTGTACA
CCTTGTGGTGGCACACTGCATGACTCCACATAGTTGAGTCGTGTGGGAGATGTTTGGGT
ACCACGCAAGCCAAAAAGTATACACAAATATTTAAAAAATGGATCAAGAGGGTAATAATA
CCTTATAATTTAATGTGTCTCTGAAATTTTGCATAATCTAGGGGATAGATGTATCATATC
CCTAAAAAACAAATTCTACATATTCTAATAGCAATATATAATTAGATTCTTACTAAAAATTA
GATTCTTGTGCAACAGGGAGTACCCAAAGCACCTATAGTCCTTGAAGGGAGTTTTAAAA
ATAATAATCTTGATGAAAGGAGAGTTTGTTTTTTACCCATTACATGTTTTCTCAATGTAGTT
TAAATGACTTTCTATATAAGTTATCATCAATGAAAAATAACTAAGTGTCTCAATTGCAAG
ATTGTTTGTTTTTTCCACTTAATGCAATAAATAAATAAATATTTTAGACACTTGAAAATATAAAA
CATTACTTTATTATTTGACTAGTGTAGAAACATACATTTGCCTAACAATGGTTGTTTTGC
ATCTTTATCATACTTTGTTTTGATAATCACCTTTGTATCTCACTATCCTTCAATTTAATAGT
TTCAATCCCAATAATGAGAATATAACATATGAAGCAGATGATTATTCAGAAAACGGTGTAA
TTTATCTCACCAAAAATAGTTCAGTCATAGGCTGAGCTACATATTCTGAAACACTTTATAT
AAGAGACGAGGACTCTGGGAATGTCACAGATTTCTCAGTGCATTTTTCTTCAGAACCAA
TTCTCATGGAAGAAACCTATATTCTGATGGTCTTAACTCTTTCTCTCCCTGCAGGTTCA
GTATTTCCCGATAAACACTTTGCTGCAGGAGAGGGACTTGGCCTTGCATGTGTTGATCAA
CAATATTCATCAAAAAATCACCATTTTGTGCTATCGAATTTGACATTTTTACCAACTATTA
CGATCCACGGGGTGTATCATGTGGGTATCAATATAAACTCCATTCAACCTGTTTCTAATGT
GACCTAGTTTAGCGGAACCTCCAATGGTAGATGCCTGGATTACTTATAGTTCAATCTCAA
AAAATCTTAGTGTTGTCTTTAATGGTTTCAAACCACAAGGGAATACTATTTTACCATTCT
GCAGAACCTATCTTACATACTTGATATGAAGGAATATTTGCTAGAGTGGGTCACTCTTGG
CTTCTCAAGTGAATAGCAATCTTCTATGCAATACATACCATATATTCTTGAATTTTACTT
CTTCTTAAACTATAATGGAAACATAACTTATCCAGATATACCTATACCATGCCCTGTGCT
TAATCTATATGTACCCCTACAAAGCCTTGTGCTAAATCCAAATGTACCCCTACCAAGACCT
ATGCTAAATCCAGATGTACCCCTACCAAGCCACGTGTCAGAGGATACTTCAAAGAAAAAA
AAAGTTAGGAGTAGTGATTGGATTGATTTTTGGTTTTTGTGTTTTGATAGCACTATTTGTTT
TTATATTGTTTGCATTTTTTAAAGAAATAGGAAGGTGAGAGAATATGAAGATGATGATGATA
TAATTGATGGTTCCATGACTAATGAATTTGAAGGGAGCACAAGACCAAGAAGTTTTTGT
AAAGTGAGTTGGTTAGATATACAAATAACTTTTCGCGGGAAAAGTTTCTTGGCCAGGGTG
GGTTTGGATATGTTTGTAAAAGATATATGAAGGAATCCAACCTCCTATATTGATGTTAAAGG
GATTTCAAGGGAGACAAACCAAGAAATAAAAAGAGTATGCATCAGAAGTTAGGATTATTCG
GCTAACACATAAACATATGGTGCAACTCATTGGTCGGTGCCATCAAAAAAGAGAGCTTCT
ACATGTCTATGAGTTTATGCCTAATGGAAGCTTAGATTACAATCTTTACAAGGGACAAAG
CCATTTTACATGTACAATAAGATTTAAGAATTCTGAAGGCTTGGCCTAAGTGTGTTTTAT

AAACATGAAGAATCAGAACAACCTCTATATTCTGTTGGATTCCAATTTCAATGCCAAGCTT
GGGGATTTTTTTTTACTAGGCTAGTTGACCATGATAAGGGATCTCAAACAACAGTTTTGG
CAGGCACGATGTGTTGCAGGGATCTTGAATGTGTCACCACTAGCAAAGCTAGCAAGGAA
ACTGACATCCATAGTTTTAGTTTTGTCGCATTAGAGATAGCTTATGGAAGGAAACCTAGT
GATCCCAAAGCTGAGGAGCATCAAATTAATATTGTTGATTGGGTTTGGAAACTTTACAGG
ATAGAAAATATTAGTGATGCAGTTGATCTTAGACTCTTATCATAG

>Solyc03g112310.1.1 GenBank ID: KT232165
MPPLSLLFILINFTIFPSIFAIEFLFNSFTANTTPALTLIDDARLEPPVIRLTNDSNQFSLGRAFYP
SQIPIKSASNSTSISSSFSTQFIFSVLPDDSSSPGFIAFVLSASTSPPNALSSQYFGLFSNATV
HTVAPLLAVEFDTGRNPEFNDPDRNHIGIDLNSIESIVTQTAGYSSDSDSFVPLNLRSGQNIH
AWIDFNGPEFEINVTIAPAGMSRPARLLSYRNPIIANYMSAQMYMGFSASKTQWVEAQRLL
AWSFSDSGVARDINTNLPVFQLENSGSSLSSGAIAGIVIGSVAVLGLCFVYWFVWRKKE
EDDVIEDWELDYWPHRFSNEELSQATKGFSDKDELLGAGFGKVYKGTLANNTEAVKCVNH
DSRQGIKEFMAEISTIGRLQHKNLVQMRGWCRKGYELMIVYDYM PNGSLNKWIFDKPEKVM
NWVDRRRVLADVAEGLNYLHHGWEQVVVHRDIKSSNVLLDSEMRGRLGDFGLAKLYTHGG
VPNTTRVVGTLGYLAPEVVTRANPTAASDVYSFGVVVLEVACGRRPIDLGIVLEEEVLDWV
RQKYREGRLCEAADKRIKEQCSEEEMAILKLGLTCCHPDPLRRPTMKEVVAVLLGENVDAT
PNELIVELAPTESNTRDRSDWSTESEPLSAV

>Solyc03g112310.1.1 GenBank ID: KT232165
ATGCCACCATTACTGTTGTTTCATTCTCATCAATTTTACAATCTTCCCATCCATTTTCGC
CATCGAATTTCTCTTCAACTCCTTCACTGCTAACACCACCCCTGCACTCACCTCATCGA
CGATGCCCGCCTTGAGCCACCAGTTATCCGCCTCACAAATGACTCCAACCAATTTTCCCT
TGCCGAGCTTTTTACCCATCTCAAATTCCTATAAAATCCGCTTCAAATTCACCTCAATT
TCTTCTCTTTCTCTACCCAGTTCATCTTCTGTACTCCCTGATGATTCTCTAGTCCCG
GATTCGGAATTGCTTTTGTCTCTGCTTCAACTTCTCCGCCTAATGCCCTCTCCAGTCA
ATACTTTGGACTTTTCTCTAACGCCACCGTTCACACGGTGGCCCCACTTCTCGCCGTCGA
GTTTGATACGGGTCGTAACCCGGAATTAATGACCCAGATAGAAATCATATCGGGATTGA
TCTTAACAGCATTGAATCTATTGTTACCCAAACGGCTGGGTATTATAGTTCTTCTGGTAAT
GATAGTGATTCTTTGTGCCTTTAAATTTGCGGTCTGGGCAAATATAACATGCTTGGATTG
ATTTAATGGACCTGAATTTGAGATTAATGTTACTATAGCTCCGGCGGGTATGTCACGGC
CTGCTAGGACTTTGTTGAGTTATAGAAACCCATAATTGCGAATTACATGTCTGCCCAGA
TGTATATGGGGTCTCTGCTTCAAAGACTCAATGGGTTGAGGCGCAAAGACTTCTAGCTT
GGAGTTTCACTGATTCTGGAGTTGCAAGGCTATTAACACTACGAATTTGCCGTTTTTT
AGCTGGAAAATTCGGGTCTTCGCTATCTTGTGCTATTGCTGGAATTGTTATTGTT
CTGTGGTTGCTGTGTTGGGTTGTTTATTTGATTTTTATTGTTTTGGTGGCGTAAGAAGG
AAGAAGATGATGTGATTGAAGATTGGGAACCTGATTACTGGCCTCATCGATTTTCAAATG
AAGAGCTTAGCCAAGCTACAAAAGGGTCTCTAAAGATGAGCTACTTGGAGCTGGTGGGA
TTCGGTAAAGTATACAAGGGAACATTAGCTAATAACACAGAAGTGGCAGTGAAATGTGTG
AACCATGACTCAAGACAAGGAATTAAGGAATTCATGGCTGAGATATCTACTATCGGAAGG
CTTCAACACAAGAATTTAGTACAAATGAGAGGGTGGTGTAGGAAGGGGTATGAACTTATG
ATTGTGTATGATTACATGCCTAATGGGAGTTTGAATAAATGGATATTCGATAAGCCGGAG
AAGGTTATGAATGGGTAGACCGGAGGAGGGTCTAGCTGATGTTGCTGAGGGGTTGAA
CTATTTGCATCATGGTTGGGAACAAGTTGTTGTACATAGGGATATTAATCTAGCAATGTT
TTGTTAGATAGCGAAATGAGAGGTAGATTGGGTGATTTTTGGGCTAGCTAAGTTGTACT
CATGGTGGTGTCCCTAATACTACTAGAGTAGTAGGTACATTAGGGTACTTGGCACCTGAA
GTGGTGACAAGGGCTAACCCAACCTGCTGCTAGTGATGTTTATAGTTTTGGGGTGGTGGT
TTTGGAGGTGGCATGTGGGCGAAGGCCGATTGACTTAGGGATTGTGTTGGAGGAAGAG
GAAGTGTGATTGATTGGGTTAGACAAAAGTACAGGGAAGGGCGATTATGTGAGGCAGC
AGATAAAAGGATCAAGGAGCAGTGTTCCGGAGGAAGAAATGGAAGCTATATTGAACTAG
GACTTACATGTTGTCACCCTGATCCTCTCCGTCCGCCTACTATGAAGGAGGTTGTTGCTG
TATTGCTTGGTGAAAATGTGCGATGCAACGCCAAATGAGTTGATCGTTGAATTAGCACCTA
CTGAAAGCAACACGAGAGATAGAAGCGACTGGTCAACTGAGGAATCAGAGCCACTTTTCG
GCTGTGTAG

>Solyc05g053010.1.1 GenBank ID: KT232166
MAKQITLTLFLILCILPSRTVFSDEFVYNGFNGVEASNLTVNGVAQILKNGALKLTNETSRVVG
HVFYKNPIKFKNSQYGVKSSSFSTAFAGFVPEYAKLGGHGFATISRSEEMKGALPSQYLGLL

SSSNVGNFSNHVFAVEFDTVQDFEFGDISDNHVGIDLNDLKSNASVNASYFSEGLSKQKLF
LQSGKTIQAWIDYDSSRNLLNVSLSLSSSTKPAFSILSFPVDLSLVFEEFMYVGFSASTGLLASS
HYIFGWSFNMGIAQSLNLDLSPFLPKTKKQDQTLIVATAVSAVFFAFGLILALYVIWKIKKIDVI
EPWELEIGPHRFSYKELKKATRGFRDKELGFGGFRVYKGTLPKTNIVVAVKRIHHEAKQG
LQEFVSEIATIGRLRHRNLVQLLGCRRRGDLLLLVYDFMSNGSLDKYIYDEPRVTLTWDQRF
KVIKGVASGLLYLHEEWEQTVIHRDIKAGNVLLDSDMNGRLGDFGLAKLYEHGENPSTTRV
GTLGYLAPELTKTGKPTTSSDVFAFGALLLEVVCGRRIEAKALPEELILVDWVWDKWNQDVI
LEVVDSRLNGEYDEMEAIMVLKGLMCSNNTPSKRPSTRLVVRYLEGEVTLPETLAAPGEYD
GKKGGTSGMELDDFIDSYPSSSYFEKVSTWSSAYDGEEDIDIEANSVAPLTDSGREDNR

>Solyc05g053010.1.1 GenBank ID: KT232166

ATGGCCAAACAAATTACGCTAACCCCTTTCTTGATTCTCTGATTTTTGCCGTCAAGAACAG
TTTTTCTGATGAATTTGTGTATAATGGCTTAATGGGGTTGAAGCTAGTAATCTTACTGT
AAATGGGGTTGCTCAGATTTTAAAGAATGGTGCTTTAAAGCTCACAAATGAAACATCTAG
AGTTGTTGGTCATGTTTTTACAAAAATCCAATTAATCAAGAATCCCAATATGGTAAA
GTTTCTCCTTTTCTACTGCTTTTGGGATTGTTCCCTGAATATGCTAAGTTAGGTG
GGCATGGTTTTGCTTTTACAATCTCAAGGAGTGAAGAGATGAAAGGGGCTCTTCCTAGTC
AGTATTTAGGCTTTTTAAGTTCAAGTAATGTAGGGAATTTTTCAAATCATGATTTGCTGTT
GAGTTTGATACTGTTCAAGATTTTGAATTTGGTGATATTAGTGATAATCATGTTGGTATTG
ATTTGAATGATTTGAAGTCTAATGCTTCAGTAAATGCTAGTTACTTCTCTGAAGGAAGTTT
GAGTAAGCAGAAGCTTTTTCTCAGAGTGGAAGACAATTCAAGCTTGGATTGATTATGA
TTCAAGTAGAAATCTGTTGAATGTTTCACTTTCACTTTCTCAACAAAACCAGCTTTTTCAA
TATTGTCCTTCCCTGTGGACCTTTCTAGTTTTGAGGAATTTATGTATGTTGGATTTTCT
GCTTCAACTGGTTTGGCTGCTAGTTCACATTATATTTGGTTGGAGTTTCAATATGAATG
GGATAGCACAAATCTTGAATCTTGATTGCTTTCCTTTCTCCCTAAGACTAAGAAGGATCA
ACAATCTTGATTGTAGCTACCGCGGTATCGGCTGTTGTGTTTTTGCATTTGGACTCATT
TTAGCCTTGTATGTCATTTGGAAAATCAAGAAAATAGATGTGATTGAGCCTTGGGAAGCTT
GAGATAGGTCCACATAGGTTTTCTTACAAGGAGTTAAAGAAGGCTACAAGGGGTTTTAGA
GATAAAGAGTTACTCGGGTTTGGTGGATTTGGTCGAGTTTATAAAGGAACATTGCCTAAG
ACGAATATTGTTGTTGCTGTTAAGCGAATACATCATGAAGCAAAACAGGGTCTTCAAGAA
TTTGTGTCTGAAATCGCGACTATTGGTCGCCTTAGACATAGAAATTTGGTTTCAAGCTTTT
GATGGTGTCCGGCAAGAGGTGATTTGTTACTTGTATGACTTTATGTCTAACGGAAGCT
TAGATAAATACATTTACGATGAACCAAGAGTTACTTTAACTTGGGATCAGAGGTTCAAGG
TTATTAAGGTGTGGCTTCTGGTCTTTGTATTTACATGAAGAATGGGAACAAACAGTGAT
CCATAGAGATATTAAGCAGGGAATGTGTTGTTAGATTCCGATATGAATGGACGACTTGG
AGATTTCCGACTTGTAAAGTTATGAGCATGGAGAAAATCCTAGCACAAACAGAGTAGT
CGTACGTTGGGTTACTTAGCTCCAGAAATTAAGACCGGGAAGCCCACGACAAGTT
CAGATGTTTTTGCCTTTGGTGCCTTGGTGCCTGCTAGAAAGTTGTTTGTGGGAGGCGCCGATT
GAGGCAAAGGCATTGCCTGAGGAGTTAATCCTAGTGGATTGGGTATGGGATAAATGGAA
TGACGGTGTCAATCTTGAAGTGGTTGACTCGAGATTAATGGCGAGTATGATGAGATGG
AGGCCATAATGGTGCTTAAATTAGGACTCATGTGTTCAAATAATACACCATCTAAGAGAC
CTAGCACGAGGCTAGTGGTGAAGACTTGAAGGGGAGGTGACACTCCCAGAGACGCT
GGCAGCTCCCGGTGAATATGATGGAAAGAAGGGTGGTACTAGCGGTATGGAGTTAGAC
GACTTCATAGATTCCTATCCGTCTTCGTCTTATTTTGAAGAAAGTAAGTACATGGTCATCAG
CTTATGACGGTGAAGGCGATATTGATATTGAAGCTAATTCAGTAGCGCCATTAACGGATT
CTGGAAGAGAGGACAACAGATAG

>Solyc10g084860.1.1 GenBank ID: KT232167

MFNFLTLLCFTITLSNLASSQLDEFIFTKFNQPNQNTLSGVAKISQNGFIQLTNDTSRLMGHAF
YSSPFHFKPTTNASTFSFSTCFALAIVPEYPKLGGHGLAFTISPSKDFSTALPSQYLGLLNASD
IGNFSNHIFAVEFDTVRFDFEFGDIDDNHVGININSLESNKSAAGYFINDQNSKQDLNLKSGKV
ILVWVEYDSVTKLVNVTLSPNLKPPIPLLSYKFDVSSIFEENMYVGFSASTGLLASSHYILGW
SFKLNGEAKLLDLSLPSLPGSKKSHGLITIIISIVFVFCALCSILIAFYIIQRFKNADVIEPWEVEI
GPHRYSYRELKKGTRGFRESELLGRGGFGKVYKGVLRNSKGDIAVKRISHESKQGLREFVS
EIASIGRLRHRNLVQLLGCRRRGDLLLLVYEFMPNGSLDNFLFDEPKMVLKWEQRFKIIKGV
ASGLLYLHEGYEQVVVHRDVKASNVLLDGELNGKLGDFGLARLYEHGNSPSTTKVVGTLGY
LAPELPRTRATTKTDVFAFGALLLEVVCGRRIEAKALPEELILVDWVWDKWNQDVI
GLMCSNSKPLARPSIRQVVRYLEGEIGMPEAPSTQGSDDLEGFVGVESERWNSLASTSFMIK
SSSFTCLSNNGDENSTNYVSFSTSPFPLLYSGECT

Solyc10g084860.1 GenBank ID: KT232167
ATGTTCAATTTTCTCACATTACTCTGCTTTACCATAACCTTATCAAATCTTGCTTCATCTCA
ACTTGATGAATTCATTTTACAAAATTTAATCAACCAAATCAGAACATAACCTTAAGTGG
GTAGCAAAAATAAGCCAAAATGGGTTTATTCAATTAACAAATGACACAAGTAGACTAATG
GGACATGCTTTTTACTCTTCACCTTTCCACTTCAAGCCTACTACTAATGCCTCTACCTTCT
CTTTCTCAACGTGTTTCGCGTTGGCCATAGTCCCGAGTATCCAAAACCTCGGTGGCCAT
GGCCTAGCATTACAATTTCTCCATCAAAGGACTTTAGTACCGCTCTTCCGAGTCAGTAC
TTAGGTCTGCTCAATGCTAGTGATATTGGTAACTTCTCTAACCATAATTTTTGCTGTTGAAT
TTGACACAGTACGTGATTTTGGTGGTATATTGATGATAACCATGTTGGTATTAATAT
TAACAGCTTAGAGTCAAATAAATCAGCTGCAGCTGGATATTTTATTAACGATCAAATTCG
AAACAAGATTTGAATCTTAAGAGTGGGAAAGTCATTCTTGTGGGTAGAATATGATTCTG
TTACGAAGTTAGTTAATGTAACCTTTTACCTAATTTTGAACCAAAAATTCCTCTGTTA
TCTTATAAATTTGATGTCTCTTCAATTTTGAAGAAAATATGTATGTTGGGTTCTCTGCTTC
TACTGGTTTCTGCTAGTTTACATTACATTTTGGGTTGGAGTTTTAAGTTAAATGGAGAA
GCAAAGTTACTTGGATTGATTACCTACCTCCTGATCTAAGAAGAGCCACAGAA
GGACTAATTACCATCATCTCGATTATTGTGTTTGTGTTTCGCGTTATGTTCAATCTTGATTG
CTTTTTATATAATCCAGAGATTCAAGAATGCTGACGTGATTGAGCCGTGGGAGGTTGAGA
TTGGTCTCATAGATATTCGTATCGTGAACCTCAAGAAAGGTAAGAGGTTTTAGGGAGA
GTGAACACTCGGGCGAGGTGGATTTGGGAAAGTTTACAAGGGTGTGTTTGGAGAAATTC
AAAGGAGACATCGCTGTGAAACGGATTTCTCATGAATCTAAACAAGGGTTGAGGGAATTT
GTGTCTGAGATTGCAAGCATTGGAAGACTTCGTCATAGGAATTTGGTTCAATTGTTAGGA
TGGTGTAGACGTCGTGGTATTGTTGCTTGTGTATGAGTTTATGCCTAATGGAAGTTG
GATAACTTCTGTTTGTGAGCCAAAATGGTGTGAAATGGGAACAAAGGTTCAAGATT
ATCAAAGGGGTTGCTTCTGGTTTACTTTACTTACATGAAGGCTATGAACAAGTCGTGTA
CATCGAGATGTTAAGGCTAGTAATGTGTTACTAGATGGTGAATTAATGGTAAGTTAGGG
GATTTTGGACTTGCTAGATTGTATGAGCATGGTTCTAATCCGTCCACGACTAAAGTTGTA
GGTACATTAGGGTACCTTGCACCAGAATTACCAAGAACAGGACGAGCCACTACAAAGAC
TGATGTGTTTGCATTTGGTGTGTTTGTACTCGAGGTGTTTGTGGACGTAGGCCAATTGA
ACACAAAGCAGGACCCGAGGAGTTTGTACTCGTGGATTTGGTGTGGGATAAATGGAGAG
AAGGTAACATACTTGACATTGTGGACTAAAGATTGAAAGGCGAATACAATGTGATTGAAG
TTTTGATGGTGTAAAATTGGGACTAATGTGCTCAAATAGCAAGCCATTGGCGCGACCAA
GCATTAGGCAAGTTGTACGATACTTGGAAAGGTGAAATCGGGATGCCTGAGGCTCCATCA
ACACAAGGTTCTGATGATCTTGAAGGATTTGGATTGTTGAAAGTGAACGTTGGAATCT
TTAGCATCGACTAGTTTTATGATCAAGTCAAGTTTCAATTTACATGTTTGTCTAATGGAGATG
AAAATAGTACTAATTATGTTTCTTTTCTACTTACCATTTCACCTTCTATATAGTGGTGAA
TGCACCTAG

>Solyc09g011070.1.1 GenBank ID: KT232168
MVYSCLVLLCSFISFSILASSQQLDGFIYTRFNEPNNNITLSGAAEISQNGFIQLTNETSRLMGH
AFYSSPFQFKNSTNGSAFSFSTCFALAIVPEYPKLGGHGLAFTISQSNDFSTALPSQYLGLLN
ATDVGNFNSNYILAVEFDTVQDFEFGDINDNHVGININSLRSNMSAKASYFDDDLVKQDLNLKC
GKVLAWVDYDSVTNLVNVTLRSFAKKPKLPLFSYHIDLSPFLKENMYVGFSAAGLLASSHY
VFGWSFKLNGEAKFLDLDLLPSLPGLKKKHSVIVIVVVLVIGILVAIYLVRFRKNADVIE
SWELEVPHRYSYEELKQATRSFKDSELLGFGGFGKVYKVLQSSNMEIAVKRISHESKQG
LREFVSEISSIGRLRHRNLVQLVGWCRRRGDLLLVDYDFMPNGSLDNFLFEKPRMLLTWEQRF
KIIKGVASGLLYLHEGYEQVVHRDVKASNVLLDGELNGRLGDFGLARLYEHGSNPGRTRRV
GTLGYLAPELPRTRATEKSDVFAFGALLLEVVCGRRPIDSKVGPPEELVLVDMVWNKWREG
KILDVIDKRLKGEFNESEVVMVLKGLMCSNNEASSRPSMRQVMSYLEGEADIPDAPMAPGD
YNGGFGFEENECMHSLASSRGHTSCLANGNVDGTFVSVSTAPLSCLFTDELPR

>Solyc09g011070.1.1 GenBank ID: KT232168
ATGGTTTATAGTTGTCTTGTACTACTCTGTTCAATTCATTTCTTTTCAATCCTAGCTTCATC
TCAGCAACTTGATGGCTTCATTTATACAAGATTCAATGAACCAAACAATAACATTACCTTA
AGTGGAGCTGCTGAGATTAGCCAAAATGGATTCACTCAACTAACCAATGAACAAGTAGA
TTAATGGGGCATGCTTTCTATTCTTACCTTTTCAAGTCAAGAACTCAACTAATGGCAGTG
CTTTTTCAATTTCAACATGTTTTGCTCTTGTATAGTCCCTGAATATCCAAAACCTTGGTGG
TCATGGACTTGCTTTTACTATTTCTCAGTCTAATGATTTTCAAGCAGCTCTTCCAAGTCAG
TATCTTGGCTTACTAAATGCTACTGATGTTGGTAACTTCTCAAATTACATACTTGTCTGTTG
AATTTGATACAGTACAAGATTTTGGTGGGATATTAATGATAATCATGTTGGTATAAA

CATTAATAGTTTAAAGGTCTAATATGTCTGCTAAAGCATCTTACTTTGATGATGATTTGGTA
AAACAAGATCTGAATCTCAAATGTGGTAAAGTTATATTGGCATGGGTTGATTATGATTCTG
TTACAAACTTTGGTTAATGTTACACTTTCAAGATTTGCTAAAAAACCAAAGTTGCCACTTTT
CTCTTATCATATAGATCTCTCTCCATTTCTCAAAGAAAATATGTATGTTGGTTTTCTGCTT
CAACTGGTTTGCTTGCAAGTTCACATTATGTTTTTGGTTGGAGCTTTAAGTTGAATGGCG
AAGCGAAATTTCTAGACTTGGATTTACTTCCATCATTGCCTGGTCTCAAGAAGAAGCACA
GTGGCGTAATTGTAGCTATCTCGGTTATAGTTGTTGTTTTGGTTTTGATTGGTATATTAGT
TGCTATTTATTTAGTTAGGAGATTCAAGAATGCTGATGTTATAGAGTCTTGGGAGCTTGA
GGTTGGTCCTCATAGATACTCTTATGAAGAACTTAAGCAAGCTACTAGAAGTTTTAAGGA
TAGTGAGCTTCTTGGGTTTGGGGGATTTGGTAAAGTTTACAAGGGTGTTTTACAAAGTTC
GAATATGGAAATAGCTGTGAAGCGTATTTACATGAATCTAAACAAGGCTTACGCGAATT
TGTGTCTGAAATATCTAGCATTGGAAGACTCCGCCATAGGAATTTGGTTCAATTAGTAGG
TTGGTGTAGACGTCGTGGTGACCTTTACTTGTGTATGATTTTTATGCCAAATGGAAGTTT
GGACAATTTCTGTTTCGAAAAACCTAGAATGTTGTTGACATGGGAGCAAAGGTTCAAAT
CATCAAAGGGGTTCTTCTGGTTTACTATACTACATGAAGGTTATGAACAAGTTGTGGT
GCATCGAGACGTTAAGGCTAGTAATGTGCTACTAGATGGAGAGTTAAATGGCAGGCTTG
GAGATTTTGGACTAGCAAGATTATATGAGCACGGATCAAACCCGGGCACGACTAGGGTG
GTAGGCACATTGGGGTACCTTGCACCGGAATTACCAAGAACAGGACGAGCTACTGAAAA
ATCCGATGTTTTTGCCTTTGGTGCCTTGTGCTTGAAGTGGTATGTGGACGTAGACCGAT
TGATTCAAAGGTGGGGCCAGAGGAATTAGTTCTAGTAGACATGGTGTGGAACAAATGGA
GAGAGGGGAAAATTCTTGATGTTATAGACAAGAGATTGAAAGGTGAGTTCAATGAAAGTG
AAGTTGTGATGGTGTGAAATTAGGACTAATGTGTTCAAACAATGAGGCGTCGTCTCGAC
CTAGCATGAGACAAGTGATGAGTTACTTGAAGGTGAAGCTGATATACCTGATGCTCCAA
TGGCTCCTGGTGATTATAATGGAGGATTTGGATTCAAGAAAACGAATGTATGCATTCTT
TAGCATCTTCAAGAGGACATACATCATGTTTGGCTAATGGAAATGTTGATGGTACATTTGT
TTCTGTTTCTACTGCACCCTTTCATGTTTATTTACTGATGAGTTGCCTAGGTAG

>Solyc10g080510.1.1 GenBank ID: KT232169
MYYLKISYLTNFVHLLIIFLVLVRLVDCLSFNQNFQKQENDFITTEHSYIEFGAIQVTGDARG
TSISNLSGRIWYSQPMNLWNRKRNRTASFNSTFVINIKPESDPWGEGLAFILTKESGYESIPD
ESYGQWLGIWNETTNGSSLNIFAVEFDTRKSYLDDLDDNHVGDINSINSVNVQVSLMDRGNV
LSRAVDVIASVQYDGESNILKVYTFMSNETGVNERNPIISMPLDLSSYLPEDVVFVGFSASTGIY
NQLNCIKAWNFTSTDIGNSNEVSLWLWILIPVISVLVFLGGVVFVFSWWRKKKRTQVLDQS
ENIEIQINSATAPQRFQLKDLKRATGNFDPKNILGRGGCGVVLKGMMLDQKEVAVKRFFNDS
SQGAKDLIAEVTTIGNLHHKLVKLIWGCYESNELLVVEFMPNGSLEKLIFCEENGKGLSLN
WEIRYVICGIAQALDYLHNGCQKRVLRDIAKSNIMLDSELNARLGDFGLARTVQVNGKTH
HSTKEIAGTIGYMAPESFHIGRATVETDVFAFGVLVLEVACGRKPGNRRYEENNYTNRVIEYV
WDLYKIGRIIDAIDVRLDRDFNEEQAEVLLGLACHPNRYERPSMKTALQILTGELVLPDIPT
EKPAFVWPAKAPSSNEASSDSLQEGQLTPITVLSGR

>Solyc10g080510.1.1 GenBank ID: KT232169
ATGTATTATCTAGGCAAGATTAGTTATTTAACTAACTTTGTTTCATCTTTTATCATATTTAT
ATTTTTGGTTCTTAGAGTGGATTGTCTGAGTTTCAATTACCAAATTTACCAAGCAAAC
GAAAATGATTTCCATACTACTGAGCATTCTACATAGAATTTGGAGCTATCCAAGTAACTG
GCGATGCTCGTGGTACTTCCATCAGTAATTTGTCTGGAAGGATATGGTATTCACAGCCTA
TGAATCTATGGAACAGAAGGAAAAACAGAACAGCCTCGTTTAAATTCAACGTTTGTGATCA
ATATCAAACCTGAGAGTGATCCATGGGGTGAAGGATTGGCTTTTATATTGACTAAAGAAA
GTGGTTATGAGTCAATCCAGATGAAAGTTATGGACAATGGCTTGGGATTGTGAATGAAA
CTACTAATGGATCTTCTTTAAACAACATATTTGCTGTTGAATTCGATACAAGGAAAAGTTA
CCTTGATGATCTTGATGATAATCATGTTGGCATTGACATAAACAGCATCAACTCTGTCAAT
CAGGTCTCGTTGATGGATCGTGGTGTAACTTTTACGAGCTGTTGATGTTATAGCAAGT
GTCCAGTATGATGGAGAATCCAACATCTTGAAGGTCTATACATTCATGAGTAATGAACT
GGAGTCAATGAAAGAAATCCCATCATTTCCATGCCACTTGATCTTTCTAGCTATCTCCCC
GAGGATGTTTTCGTGGGATTTTTCAGCTTCAACTGGGATATATAATCAGCTTAACTGCATA
AAGGCATGGAATTTTACAAGCACAGATATTGGGAACAGTAATGAAGTTAGCTTGTATGG
TTGTGGATCTTGATACCAGTAATATCGGTTCTGGTTGTGTTCTTGGTGGGGTTTTCGTA
TATTTTCACTGGTGGAGAAAAAAGAAGAGGACGCAAGTGTTAGATCAGTCGGAGAATAT
AGAGATTGAGATTGAGAATTCAGCTACTGCACCTCAGAGATTCCAGCTGAAGGACTTGAA
ACGAGCAACGGGGAACCTTGTCCGAAGAACATTTTGAAGAGGAGGATGTGGAGTAG
TCCTCAAAGGGATGTTAGATCAAAAAGAGGTGGCTGTGAAGAGATTCTTTAATGATTCAA

GTCAAGGGGCAAAAGATCTCATAGCAGAAGTCACAACCTATAGGCAATCTCCATCATAAAA
ACCTTGTCAAATTGATAGGATGGTGTCTATGAGAGCAATGAACTCCTTGTGGTCTATGAGT
TCATGCCAAATGGGAGCTTAGAAAAGTTGATATTTTTGCGAAGAAAACGGAAAAGTTTTGA
GTCTGAATTGGGAAATAAGGTATGGTGTCTGTGGGATTGCTCAAGCACTTGATTATC
TGCACAATGGATGTCAAAAAGAGTACTTCACAGAGACATCAAAGCCAGCAACATCATGC
TTGACTCAGAACTCAATGCTCGTCTAGGAGATTTCCGGATTAGCTAGGACAGTTCAAGTGA
ATGGAAGACTCACCATTCAACAAAAGAGATTGCTGGTACTATAGGCTATATGGCACCTG
AGAGTTTCCATATAGGTCGAGCCACAGTTGAAACAGACGTCTTTGCATTTGGAGTGCTAG
TTCTTGAAGTTGCTTGTGGTCGAAAACCTGGAATAGACGATATGAGGAGAATAATTATA
CCAACAGAGTCATTGAATATGTATGGGACTTGTACAAGATTGGAAGGATCATTGATGCCA
TAGATGTCAAGATTGGATAGAGATTTCAATGAAGAACAAGCCGAATGTGTGTTAATATTAG
GTTTGGCTTGTGCCATCCAAATCCTTACGAAAGGCCAAGCATGAAAACCTGCTTTACAGA
TTCTTACAGGGGAATTAGTTCTACCAGACATCCCAACTGAGAAAACCTGCATTTGTATGGC
CAGCCAAAGCTCCATCGTCCAACGAAGCTTCTAGTGATTCTCTCCAGGAAGGCCAACTT
ACACCGATTACAGTACTCAGTGGCAGATGA

>Solyc02g068300.2.1 GenBank ID: KT232170

MGLLTPTTLTIFIMLFSLLQLKLQAQKMEHLNLKYASFDETFDIFEVEKPATISNAALQVTPDS
ASSDFNRYNNSGRILFKQPFKLWDGDVFDNTRVASFNSSFLVNIYRPNNETAEGFLAFLISP
DLEKPDNSQGGYLLGLTNGSTDGISSNKVVAVELDTSKQSFDPDDNHIGIDVHSVRSVKVESL
TPHGIELAPIGARFYNVWVQYDGIKKVLDVYIVEQALKNGSTPPIPKTPILTYDLDLKEHVNQE
SYFGFSASTGTNYQLNCVLRWNLVVEYFPEKKNPWLKIVLGVGIPVVSLLILGAACLGICYHK
KRIDRSQSNILGALKSLPGTPQEFQFKALKKATNNFDEKNKLGQGGYGVYRGLAGEENKD
IAVKWFSRESIKGQDDFLAELTIINRLRHKHLVKLLGWCHKNGKLLLVEYMPNGSLDMHLFA
GPDKEPLSWHVRYKIVQGVASALHYLHNEYEQRVVHRDLKASNIMLDSKFNARLGDGFLAR
ALDNERTSYAEAEGVLGTMGYIAPECFHTGKATQQSDVYAFGAVLLEVVCGRPGTKINGF
QFFVDWVWYLHRDGRILEAVDPRLGDDYVADEAKLLLLGLACAHPIATDRPKTQAIQIISG
SAPAPEVPPFKPAFVWPSMVPIDIDSSVMDTTSITTSHFNSGWSLDYQSRETPTYADHSLV

>Solyc02g068300.2.1 GenBank ID: KT232170

ATGGGGTTGTTAACACCAACAACACTCACCATTTTCATCATGCTCTTCTCTTTACTTCAAC
TCAAGCTTCAAGCTCAGAAAATGGAACATCTCAACTTAAAATATGCATCTTTTGATGAAAC
TTTCTTTGACATCTTTGAAGTTGAAAAGCCTGCAACAATTAGTAACGCTGCTCTTCAAGTA
ACCCCTGATTCTGCTTCTCAGATTTCAATCGCTACAATAACTCAGGAAGAATCCTCTTTA
AGCAACCATTTAAGCTCTGGGATGGTGATGTTTTCGACAATAACAAGGGTTGCATCTT
TCAACTCTTCTTTTCTGTCAATATTTACAGACCAAATAATGAAACAGCTGCCGAAGGGTT
AGCATTCTGATTTACCAGATTTGGAGAAGCCAGATAATAGCCAGGGCCAGTATTTAGG
GTTAACAAATGGTTCTACAGATGGGATTTCTAGTAACAAAGTTGTTGCTGTTGAGCTTGAT
ACTTCTAAACAAAGCTTTGACCCTGATGATAATCATATAGGTATTGATGTTTCATAGTGTTA
GATCTGTAAAGGTCGAATCTTTAACACCCCATGGTATAGAAGTTGCTCCTATTGGTGCAA
GATTCTATAATGTTTGGGTACAGTATGATGGAATCAAGAAAGTTCTTGATGTTTATATTGT
TGAACAAGCACTGAAAAATGGGTCTACCCACCTATACCAAAAACCCCATTTTAAACATA
TGATCTTGATTTGAAAGAACATGTAAATCAAGAATCATATTTGGGTTTTCTGCATCAACT
GGGACTAACTACCAACTCAACTGCGTATTGAGATGGAACCTAACAGTTGAGTATTTCCCT
GAAAAGAAAAATCCTTGGTTGAAGATTGTTTTAGGTGTTGGGATTCCTGTAGTGTCTCTTT
TGATTCTTGGCGCGCGTGTGTTAGGGTATTGTTATCATAAGAAAAGGATTGATAGGTCAC
AGTCTAACATATTGGGTGCACTCAAGAGTTTGCCTGGAACCTCCACAAGAGTTTCAGTTCA
AGGCTTTGAAGAAAGCTACAAACAATTTTGTGAAAAGAATAAGCTTGGGCAAGGAGGAT
ATGGAGTTGTTTACAGAGGATTTTGTAGCTGGTGAGGAGAACAAGATATTGCTGTCAAAT
GGTTTTCTAGGGAAAGCATCAAAGGGCAAGATGATTTCTTGGCTGAGCTTACTATTATCA
ATCGTCTTCGACATAAACATCTTGTCAAATTGCTTGGTAAGTGTTCTTAGTTTTTCTTCAA
CATAGATTTTGTGCATTTGTTGAGTAGAGTATTAGAGTTATATTGTGCATGTTTTGTTTAT
GATCTTTAATAACGTTAGGGAAATGGTACTGATAACTGATAAAGTTGATGTCATGTGATCC
AAAGTTATTAAGACTCTTGTGATCCAATCTTCTCAGTATAACTACAAGTTTTGAGTCTCA
AATAAGGCCTTATCTCCAATATTTCAATTGAAAATTAACAATAGGGTAAAGATTAGTTTT
TTTTGAGTATGTACATGAAATATGTGAATAACCTTTAAGGCAAAGGAAGTTTCAAATGTAG
GGTAAATTTTGTCAAATTAGTTGCATTTTCTTGAATTCAGCAATCAGAAATAGAAATTG
TCCTCTTATGTTTTTGTATTCTCAATGAAAGAGAGAATTTATTACCAGGATTCATTGATGT
GACTTGAATAATGGTGCCAAAACCTTGTAAAAGTTGCTGACAATTTAAAGCCAAAGATT
GGTGGGACATCAAATTAATACTCCTTTTGTTCAAATTTATATGGCTTTTTTCTTCTTCT

TTTTTTATTATAAAAAAGAATGATTTTTTACCTTTTTTATTTCAAACCTCCATCTTTTCAACTTT
ATACGTAATATGTTTAAAGAGACTAATATTATAGAATATTTGTATTTGACATATTTTTTTACT
TTAAAATCATAAAAATCTAAAATTCTCTTTATATCTTAAACTTCGTGTAATCGACATATAA
ATTGAAACGGAAGGAATTTATGTGATCTGTTTTTCAGACTCTCCAGCAGTGTTGTTGCAC
ATGCATTGGATTCTTTTTAGAAAAAATACTTTTTTTTTAAGGATCTGATATGTATTCATCG
ACATTTTTAGAGAGTGAGCAACACTATTACAATAGACTCATTAAATGCATGAGGACATGC
CCTTATCTTTTTATGCTTTTCTTTTCTAGTAACTACTAGTAAGTGATCCATGATCTTACAT
GCTTCTTCAACTAATTTGTGTAATTTGGCATGGTACTAGTCTTTCTAGTCTGACATTTAG
CATGCTAGGAATTTACTAAGTTGGATCATCTTCTGACAAGCAAATTTCTCTTTGAAGAA
TCAAAGTTTTCTGAACATTTATAAATACTTGGTCTCTTTTTGTCTTCAATCTCCTTTTC
CATTCTTAGAATTTCAAGTCATCCCAAGGATTTGTCTAAGTTTTTGTACCTGACTAACT
AGATTTGCGTGCATAGGGTCTATCAAAGTGAGAAACACAATATATCAAGAGTGTCTCCA
ATTTTTTTAATGTTTGAAGTCGAAACCTCTAGTTAATGAACCACACTCTACTACAGTAAAT
GTTTAATAGTTGATGGTACGTAAGAGTTCAAGCCAAAAATATCAAGGAAGTTAGAAAAA
CTAATGGAATGCCTTAAAAGTTTTGACCAAGAACCAACTTGTGCTATGGTCCCTCCAATT
TAGAAGAACAAGGCACATCTTGAAGTGCTTCATTTTGATTTGCTTAAAAGAAGATGATCA
TCCTTTGTTGACCATGGAATAAAGCAGCCATTCGTCAAAGTTCAATACAATTTTTTTATGT
CAAAATTTTGGAAGCTTCTTCTTGTCTAACATCCCTTTTCATTATTGTCAATGATTAAC
ACAAGTTTTGGATGTTAGTTGAATGATGATAAATTAATCCAATGAAAAGGACATTAATTC
TGTATTTTAGTACATTCATATCTTCAAACACCTAATCTTTGTGTCACCTACTCTTGTGAT
CTGGCCCTACAAAGAGATAAGGTTTGTAAAATACAACAAAAAGTTGACAATTTGGGTAGT
GTGCAACTTCTGTATCTAGTTATTTTTACTGATTAAAAAACAAACATAAGCATCTTACAAGA
TTGCATGTTATGGTGACAGGATGGTGTACAAGAATGGAAAGCTACTGCTTGTATATGAA
TACATGCCTAATGGCAGTCTAGATATGCACCTCTTTGCGGGCCCAGATAAAGAGCCGCT
GAGCTGGCACGTCCGCTACAAGATTGTGCAAGGTGTGGCCTCAGCATTACATTATCTGC
ACAATGAGTATGAGCAGAGGGTGGTCCATCGCGACCTGAAGGCGAGTAACATCATGCTT
GACTCAAAGTTCAATGCGCGCCTTGGGGACTTTGGCCTTGCGCGAGCATTGACAACGA
AAGGACCTCGTATGCTGAGGCAGAAGGAGTGCTTGGTACAATGGGATACATTGCACCAG
AGTGTTCACACAGGGAAAGCCACACAGCAATCTGATGTGTACGCGTTTGGGGCAGTG
TTATTGGAAGTTGTATGTGGCCAGAGACCTGGAACCAAGATTAATGGCTTTCAATTCCTT
GTTGATTGGGTTTGGTACTTGCACCGCGATGGCCGTATCTTGGAAAGCTGTTGATCCAAG
GCTTGGAGATGACTATGTTGCTGATGAAGCAAAGAACTTTACTACTTGGTTTGGCTTG
TGCACATCCTATAGCTACTGACAGGCCTAAAACACAGGCAATAGTTCAGATTATATCAGG
GTCAGCACCAGCACCAGAAGTTCCACCATTCAAGCCAGCATTGTGTGGCCATCAATGG
TGCCAATTGACATAGACTCAAGTGTATGGACACAACATCCATTACTACTTCTCACTTCAA
TTCAGGATGGAGTCTAGACTATCAAAGCAGGGAGACCCCAACATATGCAGATCACTCTTT
GGTGTAG

>Solyc03g031980.2.1 GenBank ID: KT232171
MEFFAPKIFIFFSCLQLISQAKIITFDKQYGDPPFDHTYAPLLEIKYPAQISNQALQITPDTASTAY
KTLNNSGRILLKRPFLWVDDISRTASFNTSFLVNIYRPDNKTGAEGLAFLICPNLPLNSQG
QYLGLTNATTNGAPSNKIIAIELDTFKQEFDIDDNHVGDIDNNVESVESKSLTPYGIELAPIGARF
YNIWIQYDGIKKILDVYIIEQMTKNGATPTRPKVPILTHNVDLKEVVNEDSYFGFSASTGHFKQ
LNCVLRWNLVVEYFQEKNNQEKVLITSVSVGVLLIVLLILSGYFGYFFNEKKRGDDRSES
TILGALKSLPGMPRDFEFKELKEATNDFDEKNKLGEGGFGVYKGYLVGEKLEIAVKWFSRE
SIKQDDFLAELTIINRLRHKHLVKLLGWSHRHGKLLLVEYMPNGSLDKHLFSSGQPLRWS
VRYNIVSGVASALHYLHNEYEQKVHRDLKANNIMLDSNFNARLGDFGLARAIIDNEKTSYAD
EGEVLGTMGYIAPECFHTGKATQHSVDVYAFGAVLLELICGQRPQTKVNGFQLYLDWVWFL
HRDGRILEAVDTRLGDQYVVEEAERLLLLALACSHPIANQRPKTQTIVQVISGSVPPPQVPPF
KPSFVWPSMVPMDIDSSSIVDTISITTPQYSENNSIEYQTNLSI

>Solyc03g031980.2.1 GenBank ID: KT232171
ATGGAATTTTTCGCACCAAAAATCTTCATATTTTTCTCTTGTCTTCAACTCATATCACAAGC
CAAAATCATAACATTTGACAAACAATATGGTGATCCTTTTGACCACACATATGCTCCTTTA
CTTGAATCAAATATCCTGCACAAATAAGCAATCAAGCACTTCAAATCACCCCTGACACA
GCTTCCACTGCTTACAAAACGTTAAATAATTCAGGCAGAATCCTACTAAAACGACCTTTCA
AATTATGGGTAGACGATATTTCAAGGACAGCGTCTTTCAACACGTCAATCCTGGTAAACA
TTTATAGACCGGACAACAAAACAGGAGCCGAAGGTCTAGCATTCTTGATATGTCAAAT
TGGATTTGCCACTAACAGCCAGGGTCACTTGGGCCTAACGAACGCTACAACAAAT

TCCATTTCCGGCATTGGAAGAGCTTTCTACACATACCCAGTTCGTTTTCTTGATTCTTTA
ACCAATAACACTGCTTCTTTCTTGTACTTTCTCTTTACTATACTTCCAACCCCTTCTTG
CCTTTTGGTGATGGCATGGCGTTTTTGGTCACTTCTGATGTTGATTCTTTGAGCATCTCT
GATGGGTACATGGGTCTTCCGAATCCCGACTCGGAAGATTGTTCTTGGCTGTGGAATT
CAACGCCAATGATAACCGTATTGGTGTGATACTAAAGAAATTAGGTCATTGGCTTCTGC
TAGTGTGATTGAGCTGGGATTGATTTGAAAAGTGGGAAAGAAATGGCGGGTCCGATTG
AGTATAAAGATTGAGAGAAGATAATCAGAGTTTGGATTGGGTATGAACTGCAAATTAGGC
CTCCTAATCCTGTTCTTTCTACCAGAATTGATGTTTCCAATCAGTTGAATGAGTTTATGAG
GATTGGTTTCACTGCTAAAGGGTCTGCAGTTTATAGCATTAGTCGTTGGCGATTTAGAAC
GTTTGGATTGATTTGCTCTCCAATATCATCGTCTTGGGATCAATCCGATGAAGGAACTG
TTTGATGTGTTTCCCTGAGGAGGAAATTGGTGGGCATATTTCTGATTCTCATCATAGCAG
TAGTACTAGTAGTAAAAGCTTACTGAAATTGACTTATGGAGGGTTAGCTGCAATTGTCAC
ACTTGTGGTTGTGCTTTGTCTGTTGTGTTTGTCTTGCCTTGAAGAAGGAAAAACCGCA
TAGAGTAGGGAGAACAAGGAACGGCAAATGTGTAGATTACAAGGAAATAGAGTGCCTC
AAGATTGTCATTATCTGAAATAAAATCAGCAACAGAATGTTTTAATCATGAAAGGATAAT
TGGAGAAGGAGCATCTGCTGTTGTGTATGAAGGGGAAATTCCTTCTAGGGGATCTGTGG
CTGTTAAGAGATTTGTCCATGGGAGTAGATTGGGTCTTCCATATTCCTTTAATACTGA
ATTTGCTTCTATGGTTGGCTGTTTAAAGACACAAGAATTTGATTCAGCTTCAAGGGTGGT
TTGTGAGAGGAATGAATTGGTGTAGTGTATGAATTCATGCCTAATGGTAGCCTTGACAA
AATCCTCCACGAGCGATCGCATTTAACTAAGTTTCTGACATGGGAGAGAAGACTGAACAT
AGTTATTGGTGTGTCATCTGCACTTATGTATCTTCATGATGAGTGTGAGAATCATATAATT
CACAGAGATGTGAAGAGTTGCAATATAATGCTTGATGCTGAGTTTAAATGCAAAGCTTGA
GATTTCCGTTTAGCAGAAGTGTGATAATTCTAAGACAAGGGATGCTACTGTACCAGCT
GGAACAATGGGATATTTTGCACCTGAGTATGTGTATACTGGTATTCCAACCTGTTAAAACA
GATGTGTATAGCTTTGGTGTGATGACTGGAAGTGGCATCAGGTAGAAAGCCTATCGA
CGAAGGTGGTGGTTTGATTACTGATTGGGTGTGGGACATGTGGGAGAAAGGGAGGATA
ACTGAGGCTGCTGATCCTAAACTAATGGGGCGGTTTCAGAAGAACCAGATGGATAGAAT
GCTGATCGTGGGACTTTCTTGTGTGCATCCCGATCATGAGAAGAGACCGCGAATGAGAG
ATGTTTTCCGTATGCTTAAAGATGAAGCTCCACTTCTCATTTTACCTCCAATGAAGCCCAC
TGTGAGACTTCAATCTATTTTACCAGAGAGCTGTGAAGAAATCATGAATTGGGCTGCAAG
AATGGAGGATACACCATGGTCTACTCCAAGAACTCATTTTAGCAAGAAGACTAG

>Solyc07g065610.1.1 GenBank ID: KT232173
MFVSIFRFLIFFSFLSLVSSQNCSEFDLQSFTRLNFTLLGDSYLRNGVVGLTRDLQVPSSSSGS
LIYNNPISFFDPETKKTASFSTRFAFSVTNINPSSFGDGLAFFLSPDNQTLGSPGGFLGLVNSS
QLTKNKFVAVEFDTKQDLHFNDPDDNHVGLDIDSLISIKTANLRLAGVDLKSRLNISCWIDYKS
QEKKLMVFLSYSLKPKKPIVLDIDLSDYIKEFMYVGFVAASTEGSTELHSIENWSFRTYGFGP
VRPPHNVDNTVIVKPPHQQDSGGHKKHNSFGLGFGGPAFFCAVLVAFGWISVKKWRGL
NTEKNLKAELVTGPRQFSYKELRSATRGFHSSRIINGAFGTVYKAFFMESSIAAVKRSKHS
HESKTEFGAELSIIACLRHKNLVQLQGWCIEKGELLLVYDYPNGSLDKVLYQESEHGNPLK
WPYRYNIAVGLASVLTYLHQECEQQVIHRDIKASNIMLDASYNARLGDFFLARLMDHDKSPV
STLTAGTMGYLAPEYLQYGKATEKTDVFSYGVVILEVACGRRPIEGEGTGHEMNLVDWVW
RLYSEGRIIDAADKRLNEDFKEEEMKLLLVGLSCANPDSTERPCMRRVFQILNNEAEPIFVP
KVKPTLTFSTSIPFNIDDIFSDSEGSEAPEHELEIRID

>Solyc07g065610.1.1 GenBank ID: KT232173
ATGTTTGTTCATTTTTCAGATTTTTCAGATTTTCTTTCAGATTTCTTGTCCATTAGTATCATCACAA
AATTGCAGCTTTGATTTGCAATCTTTTACACTTCGCAATTTCACTCTTCTTGGTATTCTTA
TCTACGTAATGGTGTGTTGGTCTAACTAGAGATCTTCAAGTTCCATCTTCAAGCTCTGGT
TCCCTCATTTACAATAACCCCATCTCGTTTTTTCGATCCAGAAACCAAGAAAACGGCGTCT
TTTTCAACAAGATTTGCTTTTTCTGTTACTAACATCAACCCCTCTTCATTTGGTGATGGATT
GGCTTTTTTCTGTACCTGATAATCAGACATTGGGTAGTCCAGGTGGGTTTTTGGGTTT
GGTGAATTCCTCACAGTTAACTAAGAATAAGTTTGTGCTGTTGAATTTGATACTAAACAA
GATTTGCATTTTAAATGATCCTGATGATAATCATGTTGGTCTTGTATTTGATAGTCTTATTTT
AATAAAGACTGCAATTTGAGGTTAGCTGGTGTAGATTTGAAAAGTAGGAATTTGATTAGT
TGTTGGATTGATTACAAGAGTCAGGAGAAGAAGTTGATGGTTTTCTTGGATTACTATAGTT
TAAAGCCTAAAAACCAATCTTGATTGTTGATATTGACTTGTCTGATTATATAAAAGAGTTT
ATGTATGTGGGGTTTGTGCTTCTACTGAGGGGAGTACTGAATTGCATAGTATTGAGAAT
TGGAGTTTTCGAATTTATGGATTTGGCCCTGTGAGGCCTCCTCACAATGTTTCTGATAAT
ACCGTGATTGTAAGCCTCCGATTATTCAAGATTCTGGTGGCCATAAACATCATAATAAG

AGTTTTGGGTTGGGTTTTGGAATTGGTGGTCCAGCTTTCTTTTGTGCTGTTCTTGTAGCC
TTTGGTTGGATTCTGTAAAGAAATGGAGGGTCTTAACACAGAGAAGAATTTGAAAGCC
GAGCTTGTTACTGGACCGAGGCAGTTCAGTTACAAGGAGCTGAGGTCAGCTACAAGAGG
ATTTTCATTCCAGCAGGATTATAGGAAATGGGGCTTTTGGTACTGTTTACAAGGCGTTTTT
CATGGAATCGAGCTCTATTGCTGCAGTAAAAGATCTAAGCACAGCCATGAAAGTAAGA
CTGAGTTTGGCGCTGAGTTGTCGATCATAGCATGTTTAAAGGCACAAAATTTAGTTTCAGC
TGCAAGGGTGGTGTATTGAGAAGGGAGAGTACTTCTTGTATGACTATATGCCTAATG
GGAGTCTTGATAAGGTGCTATACCAGGAATCCGAGCATGGGAATCCGCTGAAATGGCCT
TACAGGTACAATATAGCAGTTGGTTTGGCGTCTGTTCTGACTTATTTGCATCAAGAATGT
GAGCAGCAGGTAATTCACAGAGACATAAAAGCAAGCAATATTATGCTTGATGCAAGCTAC
AATGCGAGGCTTGGCGATTTTGGGCTGGCAAGACTTATGGATCATGACAAGAGTCCAGT
CTCAACTTACTGCTGGAACAATGGGATACCTTGCTCCTGAGTACCTTCAATACGGAAA
AGCAACCGAGAAGACTGATGTTTTAGCTACGGTGTGGTTATACTAGAGGTGGCTTGGC
GGAGGACCAATTGAAGGAGAAGGTACTGGTCATGAAATGGTGAATTTGGTTGATTGG
GTTTGGAGACTTACTCTGAAGGTAGGATTATCGATGCAGCAGACAAGAGGCTTAACGA
AGACTTCAAAGAGGAAGAGATGAAAAAGTTGCTACTTGTGGACTGAGCTGTGCAAATCC
TGATAGCACAGAAAGGCCTTGTATGAGGAGAGTATTTTCAGATACTCAACAATGAGGCGG
AACCTATCTTTGTTCCGAAAGTGAAACCAACTCTAACTTTCTCCACTAGCATCCCGTTCAA
CATTGATGACATTTTCTCAGACAGTGAAGGGAGTGAGGCACCAGAACATGAGCTCGAAA
TCAGAATAGATTGA

>Solyc03g080060.1.1

MDGPSINVTKHISFRDFSSINPRLKQDLTLVGSVIVSDEKKSQIPDPEREGDDLKHLVGRAIY
SSPIRLFDPQTQTPASFETTFQFEVKS YEASDQKGKVVGGSGLTFIIVPDELTVGRAGPWL
MLNDLCDEYKTVAEFDTRKNPEFGDPNDNHLGINLGSIVSTAAINASDAGVQLNDGVS
VHRVWISYDGRKRFVEIRLAPDGRGYPSKPVYSGLLDLSPYLNEYMFVGFSAATGNHTQI
HNILSWNFTSISQASLRIPSTETCQNKIMLQNSTQSENDHRKTPNSFFIFLAVVILLVIV
LINLYFSSYKRDSNSDEAFPLPEKKQRPRPPNKARRFTIAEISIATRNFSELQILGSDEK
SITYKATILNGCNVVKRFLTQFFNTHGFEKRQFHKEIKAITRIRHPNLVPIRGWCYDNQET
IVVYDFIPNGSLDKWLVFGVGVLPWTRRFKVLKDLADSLVYLHSLKQLAHKNVKS
SSVFLDVSFRAVVGDFGFVLTSAAGSTRFEAMVSQTADVFEFGVVLEIIAGRSRKS
SNPGERDLLDLAWAMHEVQQKETLVDRRMGAVVNLEQAIRALDIGLLCTLNENKGRPT
MEEVVEFLNMEKPIPELPSGRPVCLFPYSSTTGLCSGYACTTFK

>Solyc03g080060.1.1 Corrected; GenBank ID: KT232174

MDCFFWFFFSFAILVNSYLGSSMDGPSINVTKHISFRDFSSINPRLKQDLTLVGSVIVSDEKKS
VQIPDPEREGDDLKHLVGRAIYSSPIRLFDPQTQTPASFETTFQFEVKS YEASDQKGKVV
GGSGLTFIIVPDELTVGRAGPWLMLNDLCDEYKTVAEFDTRKNPEFGDPNDNHLGINLGS
IVSTAAINASDAGVQLNDGVSVHRVWISYDGRKRFVEIRLAPDGRGYPSKPVYSGLLDL
SPYLN EYMFVGFSAATGNHTQIHNILSWNFTSISQASLRIPSTETCQNKIMLQNSTQ
SENDHRKTPNSFFIFLAVVILLVIVLINLYFSSYKRDSNSDEAFPLPEKKQRPRPPNK
ARRFTIAEISIATRNFSELQILGSDEKSITYKATILNGCNVVKRFLTQFFNTHGFEKRQ
FHKEIKAITRIRHPNLVPIRGWCYDNQETIVVYDFIPNGSLDKWLVFGVGVLPWTRRF
KVLKDLADSLVYLHSLKQLAHKNVKS
SSVFLDVSFRAVVGDFGFVLTSAAGSTRFEAMVSQTADVFEFGVVLEIIAGRSRKS
SNPGERDLLDLAWAMHEVQQKETLVDRRMGAVVNLEQAIRALDIGLLCTLNENKGRPT
MEEVVEFLNMEKPIPELPSGRPVCLFPYSSTTGLCSGYACTTFK

>Solyc03g080060.1.1 Corrected; GenBank ID: KT232174

ATGGATTGTTTTCTGGTTTTCTTTTCTTTGCCATATTAGTTAATAGTTATTTAGGTT
GTCCATGGACGGACCTTCAATTAATGTGACGAAGCATATCTTTTTCGAGATTTAGTT
TATTAATCCGAGATTGAAGCAAGATCTTACACTTGTGGTAGTGTTATCGTCTCGGATGA
AAAAAATCCGTTCAAATCCTGATCCTGAGCGAGAAGGTGATGATCTAAAGCATCTAGT
AGGACGAGCTATATATTCTTACCTATCCGTTTGTGGATCCTCAGACTCAAACACCGGC
TTCTTTTGAACGACTTTCTCGTTTCAATTTGAAGTGAAGTCTTATTCAGGCAATGAGGCG
TCAGATCAGGGGAAATATGTAGGTGGTAGTGGTCTTACTTTTATAATCGTCCCGGATGAA
TTAACTGTTGGCCGTGCTGGTCCGTGGCTTGGGATGCTGAACGATTTGTGCGATGAGGA
TTATAAACAGTAGCTATTGAGTTTGATACACGGAAGAACCCTGAATTTGGTGACCCAAA
TGATAATCACTTGGGCATTAATTTGGGTAGCATAGTTTCAACTGCAGCGATTAATGCTTCT
GACGCTGGAGTTCAATTGAATGACGGATCAGTTCACAGAGTTTGGATATCTTACGATGG
CGGAAAGCGATTTGTTGAAATTCGTCTTGCACCTGATGGCAGAGGATATCCTTCTAAACC

AGTTTACTCTGGTTTACTTGATCTTTACCTTACTTGAATGAGTATATGTTTGTGGATTTT
CAGCTGCTACTGGAAACCATACACAAATCCACAACATTTTGTTCATGGAATTTACCTCAAT
TAGTCAAGCTTCGCTTCGAATTCCTTCAACAGAGACATGCCAGAACAAAATCATGCTTCA
AAATAGCACACAATCTGAAAATGATCATCGGAAAACGCCTAATAGTTTCTTTATTTTCTT
GCTGTTGTCATTCTTCTGGTAATCGTTCTTATTAACCTCTATTTTCAGTAGCTACAAGCGAG
ATAGCAATTCTGACGAAGCATTCCCTCTGCCTGAGAAAAAGCAGAGACCACGGCCACCA
AACAAAGGCACGCCGCTTCACAATAGCTGAGATCTCCATCGCAACAAGGAATTTTCAGCGA
GTTACAAATATTAGGCAGTGATGAGAAGAGCATTACGTATAAGGCCACGATACTAAACGG
GTGCAACGTTGTTGTAAAACGATTTTAACTCAATTTTCAACACACACGGGTTTGAAAAG
CGTCAATTTACAAGGAAATCAAGGCTATCACCAGAATTCGTCACCCGAATTTGGTCCCG
ATTAGAGGTTGGTGCTATGACAACCAAGAAACAATAGTTGTGTACGATTTTCATCCCAAAT
GGAAGCCTCGATAAGTGGCTGTTTGGCGTTGGCGTCTTGCCTTGGACGAGGCGTTTTAA
GGTCCTTAAAGATTTAGCAGATTCTTGTCTACCTTCATTCAAAGCAACTCGCTCACAAA
AACGTTAAAAGTAGCAGTGTGTTTCTTGACGTGAGCTTCAGAGCAGTAGTTGGTGATTTT
GGTTTTGTGCTTACTTCAGCCGGGTCAACCCGGTTTGAGGCCATGGTGAGTCAGACAGC
TGATGTGTTTCGAGTTTCGGAGTAGTCGTGCTTGAGATCATTGCGGGTTCGGAGCAGGAAGT
CCAACCCGGGAGAACGGGACTTATTGGATCTTGCATGGGCAATGCATGAGGTACAACAG
AAGGAAACTCTAGTGGATCGTAGAATGGGCGCGGTCGTGAACCTGGAGCAGGCGATT
GGGCATTGGATATCGGGTTGCTCTGTACGTTGAACGAGAACAAGGAAGGCCTACTATG
GAAGAAGTGGTGGAGTTCCTAAACATGGAGAAACCGATACCAGAGTTGCCATCGGGTCG
ACCCGTTTGTGTTCCCGTACAGCAGCACACAGGCTTATGCAGCGGGTACGCTTGTA
CAACATTCAAATGA