

**S2 Table. Summary of yeast two-hybrid analysis of Mod(mdg4)-67.2 or CP190 domains for interaction with EAST<sup>933-2362</sup>**

<b>Mod(mdg4)-67.2</b>	<b>EAST<sup>933-2362</sup> bait</b>	<b>EAST<sup>933-2362</sup> prey</b>
<b>1-610</b>	+++	+++
<b>1-510</b>	+++	++
<b>1-465</b>	+++	++
<b>1-273</b>	+++	+++
<b>120-610</b>	-	-
<b>1-610 (Δ145-273)</b>	+++	++
<b>1-610 (Δ310-390)</b>	+++	++
<b>1-145</b>	+++	+++

<b>CP190</b>	<b>EAST<sup>933-2362</sup> bait</b>	<b>EAST<sup>933-2362</sup> prey</b>
<b>1-1097</b>	+++	+++
<b>1-767</b>	+++	+++
<b>1-610</b>	+++	+++
<b>125-610</b>	-	-
<b>1-542</b>	++	++
<b>1-308</b>	-	-
<b>1-1097 (308-430)</b>	+	-

Designations are as in Table S1.