

**Supplementary Table 1. Differentially expressed transcripts between NCR<sup>+</sup>Roryt<sup>hi</sup> and NCR<sup>+</sup>Roryt<sup>int</sup> ILC3 cells.** Shown is the normalized mean fold change between the wild-type Roryt<sup>hi</sup> and Roryt<sup>int</sup> NCR<sup>+</sup> ILC3 cells (P<0.05). Average expression is shown as the reads per kilobase per million (RPKM). Differentially expressed transcripts are expressed at >0.5 RPKM in at least one sample. Data are the mean of two independent experiments.

EntrezID	Gene Symbol	Log Fold Change NCR <sup>+</sup> Roryt <sup>hi</sup> vs. NCR <sup>+</sup> Roryt <sup>int</sup>	Average Expression Log2	Adjusted P Value
20304	<i>Ccl5</i>	3.09	1.48	0.00019
14938	<i>Gzma</i>	2.14	-0.94	0.13019
60504	<i>Il21r</i>	1.95	2.73	0.13101
16643	<i>Klrd1</i>	1.77	0.91	0.01325
241041	<i>Gm4956</i>	1.73	2.04	0.16598
12502	<i>Cd3g</i>	1.60	2.58	0.13019
16642	<i>Klrc2</i>	1.57	-0.32	0.06301
80876	<i>Ifitm2</i>	1.41	2.00	0.04084
20303	<i>Ccl4</i>	1.40	1.55	0.00145
17395	<i>Mmp9</i>	1.27	2.69	0.05660
11540	<i>Adora2a</i>	1.24	3.86	0.22225
12774	<i>Ccr5</i>	1.15	4.02	0.01764
503550	<i>Klri1</i>	1.15	-0.94	0.38451
16641	<i>Klrc1</i>	1.14	1.68	0.06244
16162	<i>Il12rb2</i>	1.13	3.76	0.10378
20302	<i>Ccl3</i>	1.13	1.87	0.06217
433470	<i>AA467197</i>	1.08	0.07	0.23871
14103	<i>Fasl</i>	1.06	2.56	0.00410
216233	<i>Socs2</i>	1.02	5.33	0.05550
231507	<i>Plac8</i>	0.96	5.47	0.43952
13011	<i>Cst7</i>	0.96	2.80	0.06793
12769	<i>Ccr9</i>	0.95	5.63	0.36106
56193	<i>Plek</i>	0.91	4.89	0.02580
74777	<i>Sepn1</i>	0.91	4.37	0.02580
72310	<i>Nkg7</i>	0.88	5.08	0.33419
244233	<i>Cd163l1</i>	0.86	5.53	0.13019
16365	<i>Irg1</i>	0.85	1.61	0.34694
12306	<i>Anxa2</i>	0.84	4.54	0.10613
106878	<i>Smim3</i>	0.84	4.47	0.32117
74318	<i>Hopx</i>	0.84	3.01	0.18351
13537	<i>Dusp2</i>	0.81	2.72	0.36245

12310	<i>Calca</i>	0.81	2.13	0.40004
100125262	<i>Trbc1</i>	0.80	5.68	0.16598
72058	<i>Igsf5</i>	0.79	4.29	0.04084
100503190	<i>Gm19585</i>	0.79	3.18	0.03120
80981	<i>Arl4d</i>	0.78	3.87	0.37739
227326	<i>Gpr55</i>	0.78	4.04	0.07027
72043	<i>Sulf2</i>	0.77	3.37	0.20508
16852	<i>Lgals1</i>	0.76	3.98	0.13019
94212	<i>Pag1</i>	0.76	7.06	0.06217
13849	<i>Ephx1</i>	0.75	2.89	0.32117
60361	<i>Ms4a4b</i>	0.75	2.10	0.16598
16963	<i>Xcl1</i>	0.74	5.77	0.11026
20556	<i>Sfn2</i>	0.67	4.67	0.20761
320712	<i>Abi3bp</i>	0.64	5.87	0.05550
18647	<i>Cdk14</i>	0.60	3.15	0.20416
57765	<i>Tbx21</i>	0.60	6.23	0.26436
320207	<i>Pik3r5</i>	0.59	5.47	0.41998
16854	<i>Lgals3</i>	0.59	2.75	0.27486
107576	<i>Tcrg-C4</i>	0.58	5.33	0.45035
20719	<i>Serpinb6a</i>	0.58	4.27	0.29940
14866	<i>Gstm5</i>	0.57	4.96	0.29605
12047	<i>Bcl2a1d</i>	0.56	5.39	0.33419
16541	<i>Napsa</i>	0.55	4.91	0.45121
102278	<i>Cpne7</i>	0.55	3.90	0.10256
12772	<i>Ccr2</i>	0.54	6.38	0.22593
20779	<i>Src</i>	0.54	5.17	0.30811
71887	<i>Ppm1j</i>	0.53	2.24	0.41998
56338	<i>Txnip</i>	0.53	6.33	0.20608
102680	<i>Slc6a20a</i>	0.52	2.00	0.46260
71839	<i>Osgin1</i>	0.52	6.05	0.22121
13611	<i>S1pr4</i>	0.52	4.11	0.38496
15978	<i>Ifng</i>	0.51	4.24	0.26409
16848	<i>Lfng</i>	0.49	5.60	0.13695
71795	<i>Pitpnc1</i>	0.48	6.26	0.25229
18576	<i>Pde3b</i>	0.48	6.95	0.44032
30938	<i>Fgd3</i>	0.48	6.62	0.16598
12045	<i>Bcl2a1b</i>	0.48	5.68	0.32867
19219	<i>Ptger4</i>	0.48	4.46	0.43544
57816	<i>Tesc</i>	0.45	3.83	0.46260
24075	<i>Taf10</i>	0.42	4.72	0.41998

83921	<i>Tmem2</i>	0.40	5.89	0.40163
216558	<i>Ugp2</i>	0.39	5.60	0.20356
232023	<i>Vopp1</i>	0.38	5.69	0.45121
207952	<i>Klhl25</i>	0.37	5.84	0.24492
240354	<i>Malt1</i>	0.37	6.39	0.32867
14360	<i>Fyn</i>	0.35	7.74	0.45121
107029	<i>Me2</i>	0.35	6.66	0.40567
78523	<i>Mrpl9</i>	0.33	5.89	0.30356
26401	<i>Map3k1</i>	0.33	7.11	0.43952
13032	<i>Ctsc</i>	0.33	5.99	0.40004
15900	<i>Irf8</i>	0.33	6.53	0.42734
67245	<i>Peli1</i>	0.30	7.29	0.37900
100201	<i>Tmem64</i>	0.27	9.60	0.41911
192193	<i>Edem1</i>	-0.32	8.77	0.41998
16438	<i>Itpr1</i>	-0.33	8.37	0.35779
12263	<i>C2</i>	-0.34	6.48	0.40119
108116	<i>Slco3a1</i>	-0.38	6.73	0.41998
230674	<i>Kdm4a</i>	-0.39	6.85	0.38496
234839	<i>Piezo1</i>	-0.39	8.03	0.41998
66184	<i>Rps4l</i>	-0.39	4.20	0.45714
20409	<i>Ostf1</i>	-0.40	9.17	0.20356
20442	<i>St3gal1</i>	-0.40	6.84	0.43912
208144	<i>Dhx37</i>	-0.41	6.59	0.22225
209590	<i>Il23r</i>	-0.42	8.66	0.35770
64011	<i>Nrgn</i>	-0.43	7.54	0.41998
434794	<i>Xlr4a</i>	-0.44	5.00	0.38496
109108	<i>Slc30a9</i>	-0.46	6.23	0.40617
54672	<i>Gpr97</i>	-0.47	7.27	0.13437
227937	<i>Pkp4</i>	-0.47	7.12	0.37739
69550	<i>Bst2</i>	-0.47	6.70	0.20416
20971	<i>Sdc4</i>	-0.49	9.52	0.15302
227659	<i>Slc2a6</i>	-0.50	7.14	0.32867
71330	<i>Rcbtb1</i>	-0.51	5.44	0.40374
56089	<i>Ramp3</i>	-0.51	10.57	0.30811
230316	<i>Megf9</i>	-0.52	5.18	0.32221
170768	<i>Pfkfb3</i>	-0.52	7.92	0.06699
26432	<i>Plod2</i>	-0.53	5.99	0.32867
15945	<i>Cxcl10</i>	-0.54	7.19	0.32117
11426	<i>Macf1</i>	-0.55	9.58	0.22225
20441	<i>St3gal3</i>	-0.55	7.24	0.02952

328329	<i>Mast4</i>	-0.57	8.90	0.41207
20975	<i>Synj2</i>	-0.58	5.91	0.10054
16428	<i>Itk</i>	-0.62	9.98	0.27121
105841	<i>Dennd3</i>	-0.63	6.28	0.42164
100502618	<i>Gm19288</i>	-0.63	3.31	0.32854
68328	<i>Rab13</i>	-0.64	3.01	0.45121
73205	<i>3110043021 Rik</i>	-0.65	6.47	0.40617
17084	<i>Ly86</i>	-0.67	4.09	0.06258
67375	<i>Qprt</i>	-0.68	4.39	0.37208
15402	<i>Hoxa5</i>	-0.68	4.79	0.28862
229776	<i>Cdc14a</i>	-0.69	7.07	0.29706
66895	<i>Pxdc1</i>	-0.69	10.07	0.01226
110596	<i>Arhgef28</i>	-0.71	6.76	0.11545
21943	<i>Tnfsf11</i>	-0.72	10.87	0.40163
97064	<i>Wwtr1</i>	-0.73	6.65	0.12582
12775	<i>Ccr7</i>	-0.74	4.91	0.22225
16001	<i>Igf1r</i>	-0.75	7.81	0.01839
50768	<i>Dlc1</i>	-0.75	6.98	0.05550
70470	<i>Rprd1b</i>	-0.77	7.86	0.17557
66616	<i>Snx9</i>	-0.78	4.72	0.22593
68180	<i>Hyi</i>	-0.79	3.59	0.31681
13830	<i>Stom</i>	-0.85	7.11	0.18662
239650	<i>Al836003</i>	-0.87	7.73	0.13101
56464	<i>Ctsf</i>	-0.88	4.94	0.22225
20198	<i>S100a4</i>	-0.92	5.05	0.21515
666938	<i>Bend4</i>	-0.94	6.65	0.39765
19713	<i>Ret</i>	-1.00	8.86	0.13019
225994	<i>Nmrk1</i>	-1.00	6.80	0.32066
65221	<i>Slc15a3</i>	-1.01	7.89	0.02580
12954	<i>Cryaa</i>	-1.02	7.29	0.17623
116849	<i>Il1f1b</i>	-1.03	6.69	0.29179
11810	<i>Apobec1</i>	-1.04	4.94	0.20508
50929	<i>Il22</i>	-1.04	10.44	0.11010
17064	<i>Cd93</i>	-1.05	9.53	0.00355
100736249	<i>Mira</i>	-1.05	2.72	0.30356
21817	<i>Tgm2</i>	-1.07	8.94	0.20416
12504	<i>Cd4</i>	-1.10	5.76	0.00557
22339	<i>Vegfa</i>	-1.11	9.16	0.25743
67800	<i>Dgat2</i>	-1.13	5.07	0.40004

16177	<i>Il1r1</i>	-1.15	8.58	0.01451
16878	<i>Lif</i>	-1.17	7.31	0.00410
13388	<i>Dll1</i>	-1.19	6.95	0.06464
20312	<i>Cx3cl1</i>	-1.21	9.69	0.00477
114249	<i>Npnt</i>	-1.25	5.93	0.41998
12145	<i>Cxcr5</i>	-1.33	7.27	0.01457
18566	<i>Pdcd1</i>	-1.38	6.19	0.13019
64292	<i>Ptges</i>	-1.40	6.65	0.06699
12458	<i>Ccr6</i>	-1.45	4.92	0.13437
219148	<i>Fam167a</i>	-1.47	5.89	0.00355
94353	<i>Hmgn3</i>	-1.53	4.35	0.03091

**Supplementary Table 2. Differentially expressed transcripts between wild-type and *Tbx21*<sup>+/-</sup> NCR<sup>+</sup>Roryt<sup>hi</sup> ILC3 cells.** Shown is the normalized mean fold change between the wild-type and *Tbx21*<sup>+/-</sup> Roryt<sup>hi</sup> NCR<sup>+</sup> ILC3 cells (P<0.05). Average expression is shown as the reads per kilobase per million (RPKM). Differentially expressed transcripts are expressed at >0.5 RPKM in at least one sample. Data are the mean of two independent experiments.

EntrezID	Gene Symbol	Log Fold Change wild-type vs. <i>Tbx21</i> <sup>+/-</sup>	Average Expression Log2	Adjusted P Value
20303	<i>Ccl4</i>	4.02	1.55	0.00000036
16162	<i>Il12rb2</i>	3.93	3.76	0.00002
320407	<i>Klri2</i>	3.81	3.87	0.0000038
503550	<i>Klri1</i>	3.18	-0.94	0.00630
16643	<i>Klrd1</i>	3.15	0.91	0.00043
20304	<i>Ccl5</i>	2.90	1.48	0.00003
20302	<i>Ccl3</i>	2.76	1.87	0.00013
12310	<i>Calca</i>	2.57	2.13	0.00125
16642	<i>Klrc2</i>	2.53	-0.32	0.00272
14103	<i>Fasl</i>	2.41	2.56	0.0000038
12945	<i>Dmbt1</i>	2.34	4.55	0.10486
102680	<i>Slc6a20a</i>	2.34	2.00	0.00007
16365	<i>Irg1</i>	2.32	1.61	0.00220
56193	<i>Plek</i>	2.29	4.89	0.00002
14079	<i>Fabp2</i>	2.28	0.88	0.09178
231507	<i>Plac8</i>	2.23	5.47	0.00424
20501	<i>Slc16a1</i>	2.18	3.86	0.00906
70163	<i>Lypd8</i>	2.11	3.12	0.11782
22264	<i>Prap1</i>	2.09	0.93	0.07118
74318	<i>Hopx</i>	2.08	3.01	0.00081
80981	<i>Arl4d</i>	2.08	3.87	0.00189
16669	<i>Krt19</i>	2.04	4.06	0.12352
60361	<i>Ms4a4b</i>	2.03	2.10	0.00043
80876	<i>Ifitm2</i>	1.93	2.00	0.00229
106878	<i>Smim3</i>	1.85	4.47	0.00248
100043314	<i>Tigit</i>	1.79	3.15	0.01603
17395	<i>Mmp9</i>	1.78	2.69	0.00229
54200	<i>Sult2b1</i>	1.77	2.92	0.03999
20411	<i>Sorbs1</i>	1.75	4.73	0.00264

12557	<i>Cdh17</i>	1.65	4.11	0.05783
14728	<i>Lilrb4</i>	1.65	5.25	0.00229
60504	<i>Il21r</i>	1.64	2.73	0.05719
12774	<i>Ccr5</i>	1.64	4.02	0.00061
14938	<i>Gzma</i>	1.64	-0.94	0.06706
66616	<i>Snx9</i>	1.62	4.72	0.00631
17059	<i>Klrb1c</i>	1.62	4.94	0.03366
14942	<i>Gzme</i>	1.55	1.80	0.00533
104215	<i>Rhoq</i>	1.48	6.31	0.10789
327812	<i>Gm15663</i>	1.48	3.09	0.00125
18669	<i>Abcb1b</i>	1.47	7.05	0.04143
74777	<i>Sepr1</i>	1.46	4.37	0.00043
16641	<i>Klrc1</i>	1.46	1.68	0.00451
74007	<i>Btbd11</i>	1.43	6.30	0.09479
14727	<i>Gp49a</i>	1.40	4.14	0.00553
11931	<i>Atp1b1</i>	1.37	3.82	0.10737
17357	<i>Marcks1</i>	1.37	7.59	0.05533
54132	<i>Pdlim1</i>	1.37	2.68	0.05924
22234	<i>Ugcg</i>	1.32	8.30	0.00155
75345	<i>Slamf7</i>	1.28	3.18	0.03651
16854	<i>Lgals3</i>	1.23	2.75	0.00229
15978	<i>Ifng</i>	1.21	4.24	0.00104
20539	<i>Slc7a5</i>	1.19	5.98	0.02862
21817	<i>Tgm2</i>	1.17	8.94	0.04855
104252	<i>Cdc42ep2</i>	1.15	3.22	0.00426
56449	<i>Ybx3</i>	1.15	5.22	0.04956
13875	<i>Erf</i>	1.13	6.06	0.02645
100114901	<i>Trdv4</i>	1.12	1.08	0.12533
23962	<i>Oasl2</i>	1.11	6.20	0.09330
13388	<i>Dll1</i>	1.09	6.95	0.04423
227326	<i>Gpr55</i>	1.07	4.04	0.00327
100503190	<i>Gm19585</i>	1.07	3.18	0.00160
12775	<i>Ccr7</i>	1.06	4.91	0.02952
631323	<i>Gm12250</i>	1.06	3.43	0.00591
140917	<i>Dclre1b</i>	1.05	4.33	0.02655
30938	<i>Fgd3</i>	1.04	6.62	0.00076
242819	<i>Rundc3b</i>	1.03	6.42	0.04833
13666	<i>Eif2ak3</i>	1.02	5.55	0.02167

80914	<i>Uck2</i>	1.02	4.89	0.11383
216233	<i>Socs2</i>	1.01	5.33	0.01270
320207	<i>Pik3r5</i>	1.01	5.47	0.01573
51813	<i>Ccnc</i>	1.01	4.78	0.00591
228140	<i>Tnks1bp1</i>	1.00	5.60	0.00317
22271	<i>Upp1</i>	-1.00	6.43	0.00673
18582	<i>Pde6d</i>	-1.00	4.47	0.11536
70561	<i>Txndc16</i>	-1.01	5.03	0.09335
170748	<i>Smco4</i>	-1.01	3.62	0.04190
57890	<i>Il17re</i>	-1.01	6.08	0.08328
51791	<i>Rgs14</i>	-1.02	4.47	0.04478
73739	<i>Cby1</i>	-1.03	3.07	0.07884
241274	<i>Pnpla7</i>	-1.03	6.88	0.01833
66531	<i>Cmc2</i>	-1.03	4.98	0.06387
217151	<i>Arl5c</i>	-1.04	5.74	0.01957
13860	<i>Eps8</i>	-1.05	5.01	0.07064
76602	<i>1700040D17</i> <i>Rik</i>	-1.05	2.78	0.11769
10012643	<i>Trgj1</i>	-1.07	0.72	0.11070
70082	<i>Lysmd2</i>	-1.08	4.40	0.08718
73218	<i>Sppl2b</i>	-1.09	6.38	0.07799
666794	<i>Rbm24</i>	-1.09	4.31	0.01293
107576	<i>Tcrg-C4</i>	-1.09	5.33	0.00640
99662	<i>Eps8l3</i>	-1.09	5.09	0.11528
67014	<i>Mina</i>	-1.09	4.71	0.10602
320747	<i>Lingo4</i>	-1.10	5.65	0.07929
19713	<i>Ret</i>	-1.10	8.86	0.02297
226090	<i>Ermp1</i>	-1.12	6.36	0.05930
106952	<i>Arap3</i>	-1.12	6.55	0.00424
71228	<i>Dlg5</i>	-1.12	6.69	0.07712
14969	<i>H2-Eb1</i>	-1.14	5.86	0.10496
116849	<i>Itifb</i>	-1.16	6.69	0.05132
215789	<i>Phactr2</i>	-1.17	6.54	0.04663
16992	<i>Lta</i>	-1.17	4.46	0.09247
69288	<i>Rhobtb1</i>	-1.17	5.24	0.11844
103268	<i>Cep57l1</i>	-1.18	4.14	0.07884
108089	<i>Rnf144a</i>	-1.20	5.46	0.08844
69069	<i>1810011H11</i>	-1.20	4.33	0.11111



<i>Rik</i>				
17064	<i>Cd93</i>	-1.21	9.53	0.00030
50929	<i>Il22</i>	-1.21	10.44	0.01307
244233	<i>Cd163l1</i>	-1.22	5.53	0.00321
15482	<i>Hspa1l</i>	-1.23	4.80	0.03364
269633	<i>Wdr86</i>	-1.25	3.64	0.09247
625018	<i>C4a</i>	-1.27	5.54	0.07335
50786	<i>Hs6st2</i>	-1.28	6.89	0.00061
11472	<i>Actn2</i>	-1.28	3.38	0.00640
14229	<i>Fkbp5</i>	-1.28	5.85	0.05719
19141	<i>Lgmn</i>	-1.30	2.47	0.08844
12778	<i>Ackr3</i>	-1.31	5.92	0.07884
79196	<i>Osbpl5</i>	-1.32	4.89	0.04877
270152	<i>Amica1</i>	-1.33	5.67	0.04814
100217441	<i>Snord23</i>	-1.34	0.64	0.11898
100302593	<i>Snord14d</i>	-1.35	0.48	0.12214
20200	<i>S100a6</i>	-1.35	3.36	0.04683
14667	<i>Gm2a</i>	-1.36	7.48	0.00160
12475	<i>Cd14</i>	-1.36	2.61	0.04565
23887	<i>Ggt5</i>	-1.36	5.09	0.01270
16543	<i>Mdfic</i>	-1.39	7.72	0.07711
19217	<i>Ptger2</i>	-1.40	5.95	0.02952
16476	<i>Jun</i>	-1.43	10.08	0.03556
319713	<i>Ablim3</i>	-1.43	7.11	0.00220
20198	<i>S100a4</i>	-1.44	5.05	0.00570
74091	<i>Npl</i>	-1.44	3.33	0.01270
68180	<i>Hyi</i>	-1.45	3.59	0.00364
320292	<i>Rasgef1b</i>	-1.47	6.77	0.11732
193740	<i>Hspa1a</i>	-1.52	8.51	0.00985
240047	<i>Mmp25</i>	-1.54	4.17	0.00699
66412	<i>Arrdc4</i>	-1.56	9.19	0.01928
15511	<i>Hspa1b</i>	-1.62	9.14	0.01223
21632	<i>Tcrg-V1</i>	-1.67	0.14	0.10789
100302594	<i>Snord14e</i>	-1.71	0.72	0.06149
71733	<i>Susd2</i>	-1.74	5.67	0.00229
378460	<i>Pram1</i>	-1.75	6.53	0.00953
13195	<i>Ddc</i>	-1.76	5.14	0.04423
17476	<i>Mpeg1</i>	-1.78	2.82	0.02297

12502	<i>Cd3g</i>	-1.80	2.58	0.00221
17105	<i>Lyz2</i>	-1.81	2.80	0.01603
16176	<i>Il1b</i>	-1.82	1.75	0.07335
76640	<i>1700113H08</i> <i>Rik</i>	-1.83	2.88	0.00692
20969	<i>Sdc1</i>	-1.97	7.13	0.00079
14767	<i>Nmur1</i>	-1.98	2.61	0.01037
11816	<i>Apoe</i>	-2.06	4.18	0.04423
12259	<i>C1qa</i>	-2.08	1.31	0.02554
12978	<i>Csf1r</i>	-2.09	1.62	0.01308
16183	<i>Il2</i>	-2.11	1.73	0.02952
108637	<i>Snord14c</i>	-2.13	-0.39	0.05350
18596	<i>Pdgfrb</i>	-2.45	5.06	0.00021
73703	<i>Dppa2</i>	-2.53	2.32	0.00104
12262	<i>C1qc</i>	-2.57	0.68	0.02645
12260	<i>C1qb</i>	-2.58	-0.05	0.00591
12876	<i>Cpe</i>	-2.94	4.15	0.00234
620750	<i>Gm6177</i>	-5.28	0.60	0.00009

**Supplementary Table 3. Histological scoring of intestinal sections**

Damage	Histological score						Total
	0	1	2	3	4	5	
Epithelial damage	<i>Normal</i>	<i>Hyper-proliferation</i>	<i>&lt;50% crypt loss</i>	<i>&lt;50% crypt loss</i>	<i>100% crypt loss</i>	<i>Ulceration</i>	0-5
Mucosal inflammation	<i>None</i>	<i>Mild</i>	<i>Moderate</i>	<i>Severe</i>			0-3
Submucosal inflammation	<i>None</i>	<i>Mild</i>	<i>Moderate</i>	<i>Severe</i>			0-3
						Maximum score	11