

**Table S2: Pairwise  $F_{ST}$  matrix between populations where  $n \geq 5$  individuals (computed from 12 microsatellite genotypes).** Pure *B. viridis* and *B. balearicus* populations (according to STRUCTURE assignments based from the same dataset) are labeled in green and red respectively. Admixed populations are indicated in yellow.

	1	2	3	4	7	17	23	26	28	30	31	33	37	40	43	47	50	52	54	56	
1	0.00																				
2	0.13	0.00																			
3	0.12	0.12	0.00																		
4	0.13	0.05	0.09	0.00																	
7	0.19	0.14	0.13	0.05	0.00																
17	0.13	0.12	0.03	0.07	0.11	0.00															
23	0.13	0.13	0.08	0.07	0.12	0.10	0.00														
26	0.16	0.14	0.10	0.05	0.11	0.12	0.06	0.00													
28	0.24	0.16	0.16	0.08	0.19	0.11	0.16	0.11	0.00												
30	0.11	0.09	0.06	0.05	0.09	0.03	0.04	0.06	0.12	0.00											
31	0.18	0.16	0.09	0.05	0.08	0.07	0.07	0.06	0.10	0.03	0.00										
33	0.16	0.16	0.06	0.05	0.06	0.02	0.06	0.07	0.10	0.02	0.00	0.00									
37	0.36	0.27	0.25	0.17	0.24	0.16	0.19	0.22	0.13	0.15	0.10	0.10	0.00								
40	0.40	0.28	0.28	0.17	0.28	0.18	0.21	0.28	0.17	0.16	0.18	0.16	0.00	0.00							
43	0.30	0.23	0.23	0.13	0.21	0.15	0.18	0.18	0.15	0.11	0.10	0.10	0.04	0.06	0.00						
47	0.21	0.15	0.12	0.06	0.11	0.06	0.07	0.07	0.04	0.03	0.02	0.03	0.04	0.08	0.05	0.00					
50	0.43	0.34	0.32	0.24	0.33	0.22	0.26	0.29	0.20	0.23	0.19	0.19	0.01	0.04	0.10	0.09	0.00				
52	0.45	0.38	0.36	0.25	0.32	0.26	0.28	0.27	0.20	0.22	0.20	0.18	0.03	0.17	0.05	0.09	0.11	0.00			
54	0.46	0.37	0.33	0.26	0.33	0.23	0.27	0.31	0.19	0.24	0.19	0.17	0.00	0.06	0.10	0.10	0.02	0.08	0.00		
56	0.53	0.44	0.41	0.35	0.41	0.31	0.33	0.38	0.29	0.29	0.30	0.27	0.16	0.26	0.16	0.17	0.15	0.15	0.11	0.00	