

Name/Loci	Forward	Reverse	Used for K27	Used for K4	Notes
Actb_TSS422	CGTATTAGGTCCATCTTGAGAGTAC	GCCATTGAGGCGTGATCGTAGC	Y	Y	http://genesdev.cshlp.org/content ,
Chr_8	AAGGGGCTCTGCTTAAAAA	AGAGCTCCATGGCAGGTAGA	Y	Y	
Col1a1_TSS2k	ACTTCTGTCTCTCTGGTC	ACAAAACGGGAAGTACACACC	Y	Y	
Col1a1_TSS950	GGGCGTGGTAACTCATCAT	AACTAGACAAGCCGGGTCCT			
Col1a2_TSS170	TGCTGCTTGCAAGTAACTCG	ATAAGGGTGCCACCTATCC		Y	
Col1a2_TSS47	TGGCTGTAATCCTTCATGG	CCCCTCTCTCGTTGATGA			
Col1a2_TSS700	CCTCGAAAGCCTCAAAGTG	GGTACCGGGGCTTCTAAAT	Y		
Col3a1_TSS127	GCAGGGACAACGTAGGTG	AACCAGGTTCCACTTGGCAC			No amplification
Col3a1_TSS-1k	GGCAGCTCTTCTCAAATCTG	GCCCACTGAGATGTTCAA			
Col3a1_TSS-4k	TCCTAGGCAAAATGGAGTTGG	TGAGATCCAGGGCTAGAACC			
Col3a1_TSS220	TTTGTGCAAAAGTGAACCTG	TGGACTGCTGTGCAAAAATA	Y	Y	
Ddr2_TSS1k	GGAGGCAACGAATAGTGAGG	TTCAGTGCCCTTCTTAGA			
Egr1_TSS1311	TTATCCCAGCCAACGACTC	GGTTCAGGCCACAAAGTGT	Y	Y	
Egr2_TSS-2025	TTCTCTCTGTCCCTTTGA	CAAACGCCAAAAGCATTAT	Y		
Egr2_TSS533	GTCTTCTCGGAGCTGTGG	TTCAGAGCCAGTGTGGTCAG		Y	
Egr3_TSS-16	GGTAGCTCGGGAGTGCTATG	TCCTCGGGGTACAGATTGTC			
Egr3_TSS1991	AAGGCCTTCAAAGACAAGCA	CTAGGCCGATTGGGGTACTT	Y	Y	
Egr3_TSS2659	GAGGCACCTTCTCTTGCTG	TGGATCAAGGCGATCCTAAC			
Eln_TSS135	CTGAAGGGCTCATCCATCTC	CCACGCTGTCCACAATCTG		Y	
Eln_TSS525	GCCTCTGATACCAGCCATGT	ATGCTGTATGAGGGTTTGC	Y		
Fgf17_TSS150	GAGAGACTGAGGTGCGAGGT	GAAGCCAGTAGCCCAAGAGA			
Fgf20_TSS100	GCACCGCCAATAAAAAGTGT	CACAGGGACCTCACAGGAGT			
Fgfr4_TSS270	GGGGCGGTAAATCAGTAAC	CGGTGGGCAATAAGTAACCA			
Foxc2_TSS-737	GAAACCCACGAAATGTTTG	TGCCAAACTGGGAAGGTAAC	Y		
Foxc2_TSS741	GTTTCATCATGGACCGTTTCC	GCACTTTCAGGAAGCACTCA		Y	
S100a4_TSS-550	CACTGCCACCTAACTCCAT	CCCAGGATAGAGGCTAGCAA			
S100a4_TSS70	GCATTATAGAGGCTGAGGCTA	CGTGAAAAACACACACACACA			
S100a4_TSS370	CTCGGGTACAGGAAGCAAAG	CCCAACCCATACGCTCATA	Y	Y	
Gata4_TSS2k	CCAATCCTCTCTCTGAAACC	TCAAGTGCCGTTGATCTTCA			
Gata4_TSS71	GGTTTTCTGGGAAACTGGAG	TCCCAGCTACTACCTCCCTA		Y	
Gata4_TSS-7k	CAACAACAACAACCACAGCA	CACCTTGGAAAGTTCTGAGC			
Gata4_TSS-6k	GTGCCCAGAGAGACAGGAAA	ATCTCCCTCCCAAGCTCTA	Y		
Hoxa10_TSS-871	CAATTGCAGCTCAATCCTGA	TTTTCTGCAAAATGCTCC			
Hoxa10_TSS1524	TTTTCTGGCATGGCTTAG	CGTGATAGTCTCCCTGT			
Hoxc10_TSS-1701	AGCCTAACCTTGCCCTGAAT	GGGGAATCTGTGGAGTGT			
Hoxc10_TSS902	TTGAGCAGAGGCTAAGGAA	TCGGTTTACCTTCCACTGCT			
Jdp2_TSS53	TGCCAGTTTAGAAGGCACT	CTCCAGATACCCAGGCAAAG	Y	Y	
Klf2_TSS-503	GGCCTCAACTCCCTCTAGG	CAGGGAACGCTCTGTGAAAT		Y	
Klf2_TSS1351	CGAGGGACTCAGGTCTCAAG	GCCACCATGCCAAACTTTAT	Y		
Klf3_TSS758	GAAGAAGCATCCCTTTTCC	ACCTCGGTGGTTCTTTTCT	Y	Y	
Lox_TSS840	GGGCCTCTCATACTGTCT	AGCCACATAGATCGCATGTT	Y	Y	
Mef2c_TSS 20	GCCAGCACTGACAAGGCTCT	GTGAGATGCGTGATCCCTCT			
Mef2c_TSS14k	CCCCTTCTACCCTCAACACA	CCCCGGCTAGTTTCTAGAGC			
Mef2c_TSS20k	CCCCTTTGCAAGAGTGAAA	GCCTTTTCTTTCCGTTTCT		Y	
Mef2c_TSS-6k	TTGCCTAATCAAGCCATGT	GGGCAAGGAAAAGGAAGAG	Y		
Mef2c_TSS-744	TCATGACTGCCAAAGTGGAG	TAGGCAGGCGGTATTCATTG			
Msc_TSS627	AGGGTGACATAGCTGTCT	AGCTTTCCAAACTGGACACG	Y	Y	
Myc_TSS-227	GCGAGCAAGAGAAAATGGTC	AAGAGGAGGAGGAGCCTCAG	Y	Y	
Myc_TSS2313	GCCCACTGAGGATATCTGGA	GACCGCAACATAGGATGGAG			Multiple products
Myh6_TSS318	GGGATATAAAGGGGCTGGAG	CCTCTAGGTGGGAGAGGT			No amplification
Myh6_TSS-2k	CCAGCCCCTAGGATAGTTC	TTGAATCAGGTCCTTTGGAG			
Myh6_TSS460	CACCGTAGCCTATGGCTCTC	CGGCACTCTTAGCAAACCTC	Y	Y	
Nppa_TSS70	GGCAGAGACAGCAAAATCA	ACACCGCACTGTACACAGGA			
Nppa_TSS-150	ACAAGCTTTGCCGAACGAT	AGAACCCTCCCACTTCTGTC	Y		
Nppa_TSS600	GGGGGTAGGATTGACAGGAT	TAACAAGACCCACCTGACC		Y	
Nppa_TSS800	ACTACGATGGGTGCCCTTG	GCAGTCTTGGCCCTGTATTC			
Pdgfra_TSS-1500	AAGCCTGTTGCGAGACCTTA	CCGTTGAAGGGCAAATGTAT			No amplification
Pdgfra_TSS700	GCACCAGGAGAAGTGTGTG	CCCTCACACCTCCCTTTT	Y	Y	
Pln_TSS4	TACTGCAGCTGCTCCATAA	CACGTCTTACCTTGGCTTCG	Y	Y	
Pln_TSS-1k	GGAAAAGAGGGAGGCTGATTT	CACATGTGTGGACCCTGATT			
Pln_TSS-2k	CTTTGTGTCATGTGCCAAT	TGCTCCACTTGAGTCTTGG			
Postn_TSS56	TATGCTCTGCTGCTGCTTT	AACAAGCCAGGACTTACCC		Y	
Postn_TSS-1k	CACTGAAAGGAACTTCTCATGG	GTTGAAGGGAGGCCACATTA			
Postn_TSS-3k	ATGCTTACAGAAACCCCACTC	AGCCAGCTACAGAGGTCAA	Y		
Ryr2_TSS-14k	TTGAAAAGGGCCTAGGAGGT	GCTGACTCAGAGCACACAGG			
Ryr2_TSS354	AGCCCTAGAACATCCTGGT	TATGCTGCTGCTGCTACTGC	Y	Y	
Ryr2_TSS-50	GCACGCGCCAGTTGATT	GCTGCTCAGGTAATCCG			No amplification
Ryr2_TSS670	CCTCCATGGCATTGGTATCT	GAGTACTTGGCGGTGTCGAT			
Ski_TSS2457	CATGGAGGAAATGACCCAAG	CTCAGGGGATTTGGTTCAGA	Y	Y	
Sox9_TSS-1212	CGGCTCCAAGCACTTAAAA	GGGCTTGGACTTTAGTTGC			
Sox9_TSS1235	GGATCAACAGAGCGAGCTTC	TCTAAACGCCCTTGTACTCCG			No amplification
Sox9_TSS2168	ACTTTTCTTTGCGCCTCA	TTTTATCAGGGGAGGGTCT	Y		

Sox9_TSS57	GGGAGCGACAACCTTACCAG	AGGAGGGAGGGAAAAACAGAG		Y	
Tbx5_TSS276	AGAGCAGAGCAGGACACTGAG	TGTTTCGCTAGCCCCAAATAC			
Tbx5_TSS-6k	CCGAGGGATACAAGACTGGA	AGGACTCTGGGTTTCTGGT			No amplification
Tbx5_TSS91	GCACCCAGCTGAGTTAGTT	CAGCCAGCTGTTTTCAGAGA			
Tbx5_TSS600	CCCCTGTACAGAGCGAGGTA	AGTCCGCCATTCTGTGTTTC	Y	Y	
Tcf21_TSS6504	CTGAACTGAGCTTGCACCAG	GGGATGTGAGAGAAGCTTGG			
Tcf21_TSS921	TAAGAATCGGAGGGGAACT	GTCGTGAAACTGAGCAGACG			
Tcf21_TSS175	GCATCTCCACCTCTTGAAGG	TTCCGTTTCAGCGTCTCTCT	Y	Y	
Tcf21_TSS1926	GGCAGATGTTCCAGGAGTTC	GCCAGGATGCTAGACCAGAG			
Tcf21_TSS3614	GGGGGTAAGGGGTGTCTAAA	GGGTTATGACCGCAGTGTTT			
Thy1_TSS-200	GGTCCCTAACCGTCTTTTCC	AGGTGTTCCATTTGGGTGTC			
Thy1_TSS675	CTTAGGTGGGCTGGGTATGA	GGAGAAGCCTGGCAGAACTA	Y	Y	
Tnnt2_TSS-250	TCAAGAGGGACAGCTGGTTT	AACAAGTACCCACGCCATA			
Tnnt2_TSS3k	CATACCCACAGGGGAGGAG	GCTGCCTCCCTAGAGTCCTT			
Tnnt2_TSS73	GTGTGCAGTCCCTGTTTCTAGA	AGGGTGGACACAAGCAAAAAG	Y	Y	
Twist1_TSS-1500	CTTTGGTCCAACCCAGAAAAG	GCTGAGGACCTTGCTAAACG	Y	Y	
Twist1_TSS-191	GAATTGTTAGACCCCGAGCA	GTGGGGAGGAGGGACTTTT			No amplification
Twist2_TSS1360	GCAAGCAGGTGGATCGTATT	GACCTGTACCCAGCCTGAA	Y	Y	
Vim_TSS65	CCTCATTCCCTTGTTGCAGT	GGTAGGAGGACGAGGACACA	Y	Y	
Xbp1_TSS1088	CATATCAGGGCCCATCCTAA	TCTGCTTTCACGGCCTATCT	Y	Y	

