

Table e-1

Frequencies of combinations of *PARK* gene mutations in adenocarcinoma of lung (307 samples)

<i>PARK</i> <i>gene</i>	<i>PA</i> <i>RK</i> 2	<i>PA</i> <i>RK</i> 8	<i>PA</i> <i>RK</i> 18	<i>PA</i> <i>RK</i> 20	<i>PA</i> <i>RK</i> 1/4	<i>PA</i> <i>RK</i> 5	<i>PA</i> <i>RK</i> 6	<i>PA</i> <i>RK</i> 7	<i>PA</i> <i>RK</i> 9	<i>PA</i> <i>RK</i> 11	<i>PA</i> <i>RK</i> 13	<i>PA</i> <i>RK</i> 14	<i>PA</i> <i>RK</i> 15	<i>PA</i> <i>RK</i> 17
<i>PARK2</i>														
<i>PARK8</i>	3													
<i>PARK18</i>	1	1												
<i>PARK20</i>														
<i>PARK1/4</i>		1												
<i>PARK5</i>														
<i>PARK6</i>														
<i>PARK7</i>														
<i>PARK9</i>		1		1										
<i>PARK11</i>	1	2				1								
<i>PARK13</i>	1													
<i>PARK14</i>	1	1	1											
<i>PARK15</i>														
<i>PARK17</i>									1					
<i>PARK19</i>	1	1	1						1		1		1	

Table e-2

Frequencies of combinations of *PARK* gene mutations in squamous cell carcinoma of lung (177 samples)

<i>PARK</i> <i>gene</i>	<i>PA</i> <i>RK</i> 2	<i>PA</i> <i>RK</i> 8	<i>PA</i> <i>RK</i> 18	<i>PA</i> <i>RK</i> 20	<i>PA</i> <i>RK</i> 1/4	<i>PA</i> <i>RK</i> 5	<i>PA</i> <i>RK</i> 6	<i>PA</i> <i>RK</i> 7	<i>PA</i> <i>RK</i> 9	<i>PA</i> <i>RK</i> 11	<i>PA</i> <i>RK</i> 13	<i>PA</i> <i>RK</i> 14	<i>PA</i> <i>RK</i> 15	<i>PA</i> <i>RK</i> 17
<i>PARK2</i>														
<i>PARK8</i>														
<i>PARK18</i>	2													
<i>PARK20</i>			1											
<i>PARK1/4</i>														
<i>PARK5</i>														
<i>PARK6</i>	1	1		1										
<i>PARK7</i>														
<i>PARK9</i>	1													
<i>PARK11</i>														
<i>PARK13</i>		1												
<i>PARK14</i>	1			1			1			1				
<i>PARK15</i>	1	1		1			1					2		
<i>PARK17</i>			1											
<i>PARK19</i>		1										1		1

The first row and first column depict the 15 *PARK* genes, while the cells represent the joint frequencies (number of samples with these mutations). The first 4 rows (and columns) depict the 4 most frequently mutated *PARK* genes.