

**S3 Table. MS/MS product ion identification of fatty acid composition and position for major molecular species detected.** The relative abundance of two fatty acids is shown in the cells highlighted in green.

Precursor	Head Grp	Species	SN1	SN2	%
750.6	PC	30:0	16:0	14:0	
778.6	PC	32:0	16:0	16:0	
778.6	PC	32:0	16:0	16:0	
776.6	PC	32:1	16:0	16:1	
804.6	PC	34:1	16:0	18:1	
804.6	PC	34:1	16:0	18:1	
832.6	PC	36:1	18:0	18:1	
832.6	PC	36:1	18:0	18:1	
830.6	PC	36:2	18:1	18:1	
830.6	PC	36:2	18:1	18:1	
826.6	PC	36:4	16:0	20:4	
860.7	PC	38:1	18:0	20:1	
858.7	PC	38:2	18:1	20:1	
854.7	PC	38:4	18:0	20:4	
854.7	PC	38:4	18:0	20:4	
888.7	PC	40:1	22:0	18:1	
882.7	PC	40:4	18:0	22:4	
878.7	PC	40:6	18:0	22:6	
916.7	PC	42:1	24:0	18:1	
790.6	PC	o-34:1	o-16:0	18:1	50
790.6	PC	o-34:1	o-18:1	16:0	50
818.6	PC	o-36:1	o-18:0	18:0	
744.6	PE	36:1	18:0	18:1	
744.6	PE	36:1	18:0	18:1	
728.6	PE	36:2	18:1	20:1	
766.6	PE	38:4	18:0	20:4	
790.6	PE	40:6	18:0	22:6	
790.6	PE	40:6	18:0	22:6	
700.6	PE	o-34:2	o-16:1	18:1	80
700.6	PE	o-34:2	o-18:2	16:0	20
700.6	PE	o-34:2	o-16:1	18:1	70
700.6	PE	o-34:2	o-18:2	16:0	30
728.6	PE	o-36:2	o-16:1	20:1	30
728.6	PE	o-36:2	o-18:1	18:1	70
726.6	PE	o-36:3	o-18:2	18:1	
756.6	PE	o-38:2	o-18:1	20:1	85
756.6	PE	o-38:2	o-18:2	20:0	15
750.6	PE	o-38:5	o-16:1	22:4	30
750.6	PE	o-38:5	o-18:1	22:5	70
750.6	PE	o-38:5	o-16:1	22:6	40
750.6	PE	o-38:5	o-18:1	22:7	60
778.6	PE	o-40:5	o-18:1	22:4	
774.6	PE	o-40:7	o-18:1	22:6	
747.6	PG	34:1	16:0	18:1	
885.7	PI	38:4	18:0	20:4	