

**eTable 2.** Case-control allelic frequencies and association parameters adjusted for gender in the genotype and imputed case-control samples

CHR	SNP	BP	Region	Morocco										Tunisia										ATVB										Region									
				A1	F	A	F	U	OR	L95	U95	P	A1	F	A	F	U	OR	L95	U95	P	A1	F	A	F	U	OR	L95	U95	P	A1	F	A	F	U	OR	L95	U95	P				
1	rs4970833	109804646	1p13	A	0.493	0.418	1.268	0.792	2.032	0.330	A	0.533	0.493	1.426	0.741	2.744	0.288	A	0.120	0.092	0.884	0.323	2.417	0.841	T	0.084	0.096	0.868	0.735	1.025	0.096	T	0.107	0.085	1.292	0.879	1.898	0.180					
1	rs653635	109806313	1p13	G	0.069	0.214	0.257	1.110	0.598	0.003	G	0.120	0.092	0.884	0.323	2.417	0.841	T	0.084	0.096	0.868	0.735	1.025	0.096	T	0.107	0.085	1.292	0.879	1.898	0.180												
1	rs6857811	109807283	1p13	T	0.142	0.085	1.828	0.746	4.483	0.208	T	0.076	0.112	0.550	3.453	3.196	0.912	T	0.084	0.096	0.868	0.735	1.025	0.096	T	0.107	0.085	1.292	0.879	1.898	0.180												
1	rs6808196	109808117	1p13	A	0.028	0.082	0.317	0.089	1.129	0.055	A	0.098	0.033	2.188	0.585	8.188	0.243	T	0.084	0.096	0.868	0.735	1.025	0.096	T	0.107	0.085	1.292	0.879	1.898	0.180												
1	rs17035630	109810981	1p13	A	0.070	0.122	0.589	0.250	1.390	0.253	A	0.098	0.072	1.031	0.386	2.752	0.981	T	0.084	0.096	0.868	0.735	1.025	0.096	T	0.107	0.085	1.292	0.879	1.898	0.180												
1	rs17035665	109813719	1p13	T	0.220	0.167	1.324	0.695	2.563	0.386	T	0.174	0.224	0.866	4.01	1.873	0.718	T	0.084	0.096	0.868	0.735	1.025	0.096	T	0.107	0.085	1.292	0.879	1.898	0.180												
1	rs4970834	109814880	1p13	T	0.215	0.229	0.228	0.519	1.659	0.777	T	0.087	0.197	0.314	0.118	0.835	0.020	T	0.121	0.143	0.831	0.721	0.956	0.013	T	0.161	0.136	1.213	0.896	1.643	0.198												
1	rs611917	109815252	1p13	C	0.236	0.245	0.974	0.540	1.755	0.977	C	0.207	0.243	0.772	0.353	1.690	0.526	G	0.217	0.232	0.912	0.809	1.027	0.130	G	0.277	0.252	1.160	0.888	1.516	0.256												
1	rs12740374	109817500	1p13	T	0.190	0.177	1.088	0.566	2.091	0.788	T	0.120	0.224	0.541	0.228	1.285	0.171	T	0.170	0.191	0.870	0.769	0.985	0.028	T	0.203	0.185	1.129	0.855	1.491	0.359												
1	rs629391	109818306	1p13	C	0.201	0.194	1.038	0.563	1.917	0.988	C	0.141	0.270	0.475	0.206	1.095	0.063	G	0.170	0.191	0.870	0.769	0.985	0.028	G	0.203	0.185	1.129	0.855	1.491	0.359												
1	rs646776	109818530	1p13	C	0.201	0.194	1.038	0.563	1.917	0.988	C	0.141	0.270	0.475	0.206	1.095	0.063	G	0.170	0.191	0.870	0.769	0.985	0.028	G	0.203	0.185	1.129	0.855	1.491	0.359												
1	rs17035849	109820919	1p13	G	0.118	0.114	0.592	0.274	1.246	0.148	G	0.065	0.105	0.601	1.922	1.364	0.364	G	0.053	0.052	1.020	0.826	1.261	0.863	G	0.053	0.054	1.002	0.812	1.640	0.997												
1	rs583104	109821307	1p13	C	0.319	0.378	0.789	0.457	1.293	0.306	C	0.174	0.342	0.358	1.56	0.821	0.010	G	0.184	0.203	0.885	0.784	0.999	0.055	G	0.224	0.196	1.192	0.908	1.563	0.181												
1	rs602633	109821511	1p13	A	0.319	0.357	0.838	0.496	1.415	0.515	A	0.163	0.322	0.354	1.53	0.919	0.014	T	0.180	0.201	0.870	0.771	0.983	0.023	T	0.223	0.191	1.213	0.925	1.591	0.151												
1	rs599839	109822166	1p13	G	0.319	0.367	0.805	0.480	1.351	0.403	G	0.174	0.336	0.365	1.59	0.837	0.011	G	0.184	0.202	0.892	0.790	1.007	0.073	G	0.223	0.197	1.170	0.893	1.534	0.221												
1	rs14000	109822509	1p13	C	0.083	0.153	0.483	0.209	1.117	0.049	C	0.120	0.259	0.124	0.405	3.645	0.733	C	0.120	0.100	1.227	1.052	1.432	0.013	C	0.123	0.114	0.998	0.771	1.564	0.609												
1	rs672569	109822753	1p13	A	0.188	0.255	0.710	0.398	1.266	0.265	A	0.141	0.243	0.382	1.59	0.918	0.028	A	0.103	0.114	0.897	0.768	1.046	0.166	A	0.124	0.110	1.152	0.814	1.630	0.390												
1	rs655246	109823283	1p13	A	0.493	0.490	1.034	0.621	1.724	0.897	A	0.500	0.513	0.874	0.457	1.670	0.676	A	0.354	0.365	0.949	0.853	1.056	0.313	A	0.369	0.382	0.941	0.730	1.211	0.620												
1	rs17584208	109833187	1p13	T	0.049	0.051	0.974	0.288	3.294	0.979	T	0.033	0.066	0.357	0.080	1.585	0.151	A	0.044	0.043	1.014	0.802	1.281	0.921	A	0.058	0.046	1.311	0.787	1.885	0.285												
1	rs17645031	109834938	1p13	T	0.049	0.051	0.974	0.288	3.294	0.979	T	0.033	0.066	0.357	0.080	1.585	0.151	T	0.044	0.043	1.014	0.802	1.281	0.921	T	0.058	0.046	1.311	0.787	1.885	0.285												
1	rs17645143	109835757	1p13	C	0.236	0.235	1.022	0.559	1.869	0.885	C	0.304	0.224	1.529	0.747	3.131	0.233	C	0.228	0.218	1.067	0.946	1.204	0.300	C	0.207	0.233	0.842	0.636	1.114	0.216												
1	rs629001	109838918	1p13	C	0.097	0.163	0.532	0.236	1.200	0.140	C	0.109	0.171	0.504	0.410	2.709	0.895	C	0.030	0.045	0.653	0.506	0.843	0.002	C	0.048	0.041	1.170	0.695	1.972	0.566												
1	rs3850615	109839738	1p13	A	0.104	0.082	1.307	0.524	3.256	0.641	A	0.054	0.099	0.744	0.230	2.411	0.648	A	0.041	0.031	1.343	1.036	1.740	0.023	A	0.039	0.052	0.748	0.443	1.262	0.260												
1	rs600806	109840629	1p13	C	0.284	0.250	1.081	0.570	2.052	0.831	C	0.228	0.296	0.845	0.421	1.697	0.645	G	0.224	0.213	1.067	0.951	1.197	0.280	G	0.257	0.222	1.217	0.933	1.589	0.147												
1	rs684034	109842271	1p13	G	0.285	0.255	1.193	0.649	2.194	0.553	G	0.261	0.283	0.944	0.473	1.985	0.871	C	0.255	0.238	1.093	0.979	1.221	0.114	C	0.277	0.252	1.141	0.885	1.471	0.313												
1	rs11583969	109843775	1p13	T	0.063	0.092	0.599	0.217	1.656	0.291	T	0.022	0.038	0.335	0.056	2.017	0.236	T	0.054	0.044	1.229	0.988	1.529	0.068	T	0.081	0.069	1.672	0.957	2.466	0.029												
1	rs652651	109844532	1p13	G	0.209	0.255	0.936	0.701	2.395	0.788	G	0.244	0.242	0.758	0.410	2.216	0.417	G	0.265	0.244	1.114	0.998	1.243	0.050	A	0.276	0.250	1.086	0.842	1.403	0.511												
1	rs407102	109846276	1p13	G	0.243	0.235	1.077	0.570	2.032	0.809	G	0.281	0.280	0.820	0.407	1.652	0.560	C	0.252	0.232	1.112	0.995	1.22	0.059	C	0.266	0.251	1.085	0.840	1.401	0.536												
1	rs592107	109848726	1p13	T	0.257	0.214	1.314	0.691	2.499	0.371	T	0.261	0.296	0.811	0.405	1.825	0.502	A	0.252	0.232	1.112	0.995	1.22	0.059	A	0.266	0.251	1.085	0.840	1.401	0.536												
1	rs444387	109851127	1p13	A	0.304	0.260	1.284	0.691	2.388	0.431	A	0.272	0.329	0.743	0.370	1.493	0.396	A	0.253	0.234	1.104	0.989	1.234	0.080	A	0.266	0.256	1.085	0.820	1.365	0.675												
1	rs464218	109856306	1p13	T	0.493	0.439	1.283	0.767	2.080	0.374	T	0.500	0.513	0.793	0.408	1.502	0.461	G	0.427	0.413	1.062	0.964	1.170	0.202	G	0.452	0.459	0.969	0.770	1.218	0.181												
1	rs17585355	109857815	1p13	C	0.310	0.255	1.448	0.719	2.919	0.303	C	0.304	0.242	1.926	0.915	4.056	0.081	C	0.034	0.026	1.362	1.024	1.813	0.032	C	0.031	0.039	0.786	0.440	1.403	0.410												
1	rs370088	109858119	1p13	T	0.264	0.214	1.348	0.718	2.531	0.354	T	0.261	0.296	0.811	0.405	1.625	0.502	T	0.252	0.234	1.103	0.987	1.232	0.087	T	0.266	0.256	1.058	0.820	1.365	0.675												
1	rs3853500	109864269	1p13	A	0.292	0.255	1.236	0.671	2.277	0.460	A	0.272	0.329	0.743	0.370	1.493	0.396	T	0.251	0.232	1.111	0.994	1.242	0.061	T	0.265	0.251	1.075	0.832	1.389	0.566												
1	rs3768496	109866569	1p13	A	0.257	0.214	1.314	0.691	2.499	0.371	A	0.261	0.296	0.811	0.405	1.625	0.502	T	0.258	0.236	1.121	1.004	1.252	0.042	T	0.273																	

9	rs2811711	21993964	9p21	C	0.194	0.194	0.964	0.495	1.876	0.915	C	0.141	0.184	0.715	0.308	1.661	0.489	C	0.155	0.138	1.144	1.000	1.310	0.049	C	0.158	0.172	0.900	0.662	1.225	0.526
9	rs3218020	21997872	9p21	T	0.389	0.388	0.995	0.590	1.679	0.968	T	0.413	0.434	0.804	0.442	1.462	0.502	A	0.467	0.420	1.211	1.099	1.333	0.001	A	0.404	0.449	1.374	1.091	1.179	0.005
9	rs3218002	22000841	9p21	T	0.250	0.184	1.471	0.784	2.763	0.233	T	0.207	0.178	1.005	0.463	2.181	0.999	A	0.131	0.119	1.113	0.963	1.288	0.151	A	0.082	0.106	0.700	0.531	1.127	0.000
9	rs3217992	22003223	9p21	A	0.410	0.418	0.972	0.587	1.609	0.973	A	0.435	0.447	0.850	0.474	1.525	0.587	T	0.502	0.458	1.192	1.084	1.312	0.001	T	0.507	0.439	1.339	1.063	1.688	0.009
9	rs3217986	22005330	9p21	C	0.042	0.000	#####	0	inf	0.959	C	0.043	0.059	0.797	0.225	2.289	0.750	G	0.068	0.079	0.847	0.703	1.022	0.091	G	0.052	0.065	0.779	0.483	1.258	0.312
9	rs974336	22006348	9p21	A	0.243	0.184	1.402	0.749	2.625	0.360	C	0.207	0.178	1.005	0.463	2.181	0.999	T	0.131	0.118	1.120	0.968	1.296	0.131	T	0.082	0.106	0.700	0.531	1.117	0.000
9	rs2069422	22008026	9p21	C	0.222	0.135	1.861	0.910	3.807	0.079	C	0.174	0.138	1.019	0.422	2.349	0.956	G	0.133	0.122	1.107	0.957	1.281	0.181	G	0.084	0.107	0.766	0.526	1.115	0.730
9	rs2069418	22009698	9p21	C	0.201	0.296	0.586	0.319	1.076	0.822	C	0.294	0.211	1.864	0.942	3.688	0.072	G	0.320	0.364	0.824	0.745	0.911	0.001	G	0.376	0.412	0.866	0.692	1.085	0.221
9	rs575427	22011477	9p21	C	0.076	0.115	0.618	0.242	1.578	0.288	C	0.033	0.072	0.423	0.095	1.881	0.229	G	0.083	0.078	1.075	0.902	1.280	0.408	G	0.100	0.112	0.883	0.613	1.217	0.509
9	rs10811640	22013011	9p21	G	0.438	0.429	1.035	0.620	1.728	0.812	G	0.511	0.468	1.760	0.463	2.181	0.999	A	0.451	0.483	0.879	0.969	0.927	0.013	G	0.457	0.517	0.781	0.629	0.979	0.056
9	rs1684319	22017636	9p21	T	0.382	0.216	1.275	0.467	2.118	0.349	T	0.413	0.290	1.486	0.812	3.255	0.198	A	0.370	0.390	0.917	0.832	1.012	0.900	A	0.387	0.434	0.819	0.649	1.032	0.088
9	rs17044859	22018781	9p21	T	0.438	0.429	1.035	0.620	1.728	0.812	T	0.511	0.468	1.773	0.471	2.338	0.070	T	0.451	0.484	0.879	0.900	0.967	0.012	T	0.457	0.517	0.813	0.629	0.979	0.035
9	rs523096	22019129	9p21	C	0.188	0.245	0.710	0.382	1.319	0.287	C	0.304	0.191	2.072	1.030	4.165	0.042	G	0.317	0.361	0.821	0.742	0.909	0.001	G	0.373	0.402	0.888	0.708	1.113	0.313
9	rs518394	22019673	9p21	G	0.188	0.245	0.710	0.382	1.319	0.287	G	0.294	0.191	1.981	0.987	4.077	0.065	C	0.315	0.359	0.822	0.743	0.910	0.001	C	0.369	0.404	0.870	0.694	1.091	0.228
9	rs10757264	22019732	9p21	A	0.409	0.388	1.084	0.648	1.815	0.800	A	0.424	0.342	1.360	0.736	2.515	0.321	A	0.408	0.433	0.902	0.819	0.993	0.044	A	0.410	0.470	0.782	0.623	0.981	0.031
9	rs10965212	22023795	9p21	T	0.417	0.388	1.103	0.667	1.825	0.695	T	0.446	0.347	1.423	0.782	2.592	0.250	T	0.417	0.447	0.888	0.807	0.978	0.022	T	0.431	0.484	0.797	0.633	1.004	0.054
9	rs496892	22024351	9p21	A	0.382	0.323	1.239	0.744	2.064	0.391	A	0.370	0.287	1.261	0.673	2.361	0.475	G	0.368	0.389	0.913	0.827	1.007	0.070	C	0.382	0.432	0.805	0.637	1.017	0.065
9	rs10739604	22025493	9p21	A	0.319	0.367	0.816	0.468	1.421	0.490	A	0.413	0.408	0.879	0.483	1.600	0.700	A	0.484	0.439	1.195	1.086	1.315	0.002	A	0.495	0.421	1.366	1.085	1.719	0.065
9	rs1591136	22026834	9p21	C	0.417	0.388	1.103	0.667	1.825	0.695	C	0.446	0.349	1.420	0.779	2.588	0.252	G	0.417	0.446	0.889	0.808	0.978	0.026	G	0.431	0.484	0.797	0.633	1.004	0.054
9	rs598664	22027551	9p21	G	0.203	0.133	1.676	0.821	3.422	0.142	G	0.174	0.138	1.019	0.422	2.349	0.956	C	0.129	0.120	1.094	0.945	1.267	0.219	C	0.084	0.109	0.753	0.517	1.096	1.490
9	rs7049105	22028801	9p21	A	0.417	0.388	1.103	0.667	1.825	0.695	A	0.446	0.349	1.420	0.779	2.588	0.252	A	0.415	0.447	0.881	0.801	0.969	0.016	A	0.431	0.484	0.797	0.633	1.004	0.054
9	rs10965215	22029445	9p21	A	0.493	0.448	1.188	0.710	1.986	0.514	G	0.446	0.344	0.609	0.603	1.897	0.813	G	0.422	0.455	0.876	0.797	0.964	0.010	G	0.437	0.491	0.798	0.634	1.005	0.052
9	rs564398	22029547	9p21	G	0.167	0.204	0.767	0.401	1.466	0.432	G	0.239	0.171	1.703	0.803	3.610	0.162	C	0.282	0.324	0.823	0.742	0.914	0.002	C	0.347	0.372	0.897	0.711	1.132	0.367
9	rs562463	22030438	9p21	T	0.211	0.133	1.126	0.872	3.640	1.035	T	0.185	0.145	1.067	0.466	2.442	0.862	A	0.124	0.113	1.111	0.957	1.289	0.163	A	0.079	0.106	0.733	0.500	0.703	0.129
9	rs7868618	22031005	9p21	G	0.167	0.214	0.716	0.375	1.367	0.307	G	0.239	0.171	1.703	0.803	3.610	0.162	G	0.289	0.331	0.823	0.742	0.912	0.001	G	0.352	0.380	0.886	0.703	1.117	0.312
9	rs1015049	22031509	9p21	A	0.479	0.490	0.936	0.557	1.603	0.933	A	0.477	0.461	0.956	0.591	1.272	0.216	A	0.417	0.447	0.888	0.807	0.978	0.022	A	0.432	0.504	0.802	0.637	1.010	0.065
9	rs2157171	22033366	9p21	T	0.236	0.204	0.767	0.401	1.466	0.432	T	0.239	0.171	1.652	0.407	3.503	0.225	G	0.288	0.330	0.821	0.741	0.911	0.002	C	0.350	0.382	0.875	0.694	1.102	0.263
9	rs1008878	22036112	9p21	G	0.167	0.225	0.692	0.369	1.298	0.240	G	0.239	0.171	1.703	0.803	3.610	0.162	G	0.288	0.330	0.821	0.741	0.911	0.002	G	0.350	0.382	0.875	0.694	1.102	0.263
9	rs12376000	22039426	9p21	T	0.076	0.133	0.532	0.224	1.267	1.175	T	0.054	0.072	0.228	0.263	2.343	0.526	T	0.084	0.079	1.061	0.892	1.262	0.502	T	0.100	0.110	0.895	0.620	1.294	0.567
9	rs17694493	22041998	9p21	G	0.215	0.125	0.962	0.444	1.470	0.688	G	0.185	0.138	1.194	0.512	2.758	0.691	G	0.147	0.138	1.080	0.941	1.241	0.254	G	0.118	0.136	0.853	0.612	1.189	0.357
9	rs12352425	22042086	9p21	A	0.069	0.041	1.821	0.533	6.220	0.340	A	0.065	0.112	0.707	0.246	2.031	0.528	A	0.070	0.081	0.855	0.711	1.028	0.101	A	0.052	0.069	0.726	0.455	1.159	0.187
9	rs1412829	22043926	9p21	C	0.167	0.214	0.716	0.375	1.367	0.307	C	0.239	0.171	1.703	0.803	3.610	0.162	G	0.286	0.327	0.827	0.745	0.917	0.003	G	0.352	0.383	0.875	0.694	1.102	0.250
9	rs1360589	22045317	9p21	G	0.160	0.174	0.870	0.448	1.689	0.686	G	0.228	0.165	1.648	0.776	3.498	0.205	C	0.288	0.329	0.828	0.746	0.917	0.003	C	0.347	0.383	0.858	0.681	1.079	0.190
9	rs7028570	22046863	9p21	A	0.500	0.500	1.007	0.610	1.665	0.926	G	0.435	0.421	1.057	0.594	1.879	0.915	G	0.418	0.448	0.887	0.806	0.976	0.017	G	0.429	0.483	0.799	0.636	1.005	0.055
9	rs17756311	22053895	9p21	A	0.215	0.122	1.975	0.953	4.092	0.066	A	0.174	0.138	1.019	0.422	2.349	0.956	A	0.110	0.100	1.113	0.952	1.301	0.194	A	0.074	0.088	0.831	0.557	1.240	0.395
9	rs17684572	22054356	9p21	A	0.215	0.122	1.975	0.953	4.092	0.066	A	0.174	0.138	1.019	0.422	2.349	0.956	A	0.111	0.098	1.140	0.974	1.333	0.103	A	0.077	0.090	0.852	0.574	1.265	0.464
9	rs10120688	22056499	9p21	A	0.500	0.480	1.102	0.655	1.855	0.711	G	0.457	0.428	1.066	0.609	1.868	0.803	G	0.410	0.442	0.881	0.801	0.970	0.016	G	0.431	0.464	0.871	0.693	1.095	0.243
9	rs1537378	22061614	9p21	T	0.155	0.174	0.846	0.435	1.646	0.629	T	0.228	0.165	1.648	0.776	3.498	0.205	A	0.268	0.312	0.811	0.730	0.900	0.001	A	0.319	0.366	0.821	0.652	1.034	0.098
9	rs1011970	22062134	9p21	T	0.299	0.174	2.155	1.106	4.198	0.021	T	0.261	0.243	0.923	0.485	1.755	0.822	T	0.184	0.181	1.023	0.903	1.159	0.710	T	0.129	0.159	0.786	0.576	1.073	0.128
9	rs818047	22064465	9p21	A	0.090	0.071	1.218	0.466	3.180	0.701	A	0.185	0.099	2.574	1.020	6.499	0.041	A	0.192	0.239	0.764	0.680	0.858	0.001	A	0.236	0.265	0.860	0.668	1.017	0.259
9	rs10811647	22065002	9p21	G	0.431	0.459	0.968	0.557	1.539	0.743	G																				

10	rs2802477	44696034	10q11	C	0.354	0.427	0.720	0.417	1.242	0.273	C	0.391	0.401	1.088	0.610	1.940	0.796	G	0.428	0.417	1.052	0.950	1.165	0.321	G	0.416	0.424	0.963	0.762	1.218	0.739
10	rs11594522	44696352	10q11	A	0.139	0.102	1.397	0.622	3.134	0.423	A	0.141	0.105	1.991	0.710	5.584	0.184	A	0.170	0.165	1.039	0.914	1.179	0.546	A	0.205	0.181	1.153	0.877	1.516	0.338
10	rs2054620	44698075	10q11	C	0.354	0.265	1.534	0.853	2.760	0.169	C	0.304	0.283	1.007	0.527	1.923	0.988	C	0.324	0.343	0.914	0.825	1.012	0.663	C	0.350	0.328	0.998	0.874	1.383	0.428
10	rs11238921	44699100	10q11	T	0.354	0.262	1.534	0.853	2.760	0.169	T	0.304	0.263	1.110	0.573	2.132	0.772	T	0.323	0.343	0.911	0.822	1.010	0.660	T	0.350	0.328	0.998	0.874	1.383	0.428
10	rs768676	44702681	10q11	A	0.076	0.092	0.849	0.355	2.031	0.814	A	0.120	0.105	1.065	0.428	2.651	0.848	A	0.067	0.058	1.166	0.956	1.423	0.125	A	0.056	0.063	0.880	0.547	1.148	0.585
10	rs3865770	44705969	10q11	T	0.139	0.102	1.397	0.622	3.134	0.423	T	0.141	0.105	1.991	0.710	5.584	0.184	A	0.170	0.165	1.039	0.914	1.179	0.546	A	0.205	0.181	1.153	0.877	1.516	0.338
10	rs1482473	44707598	10q11	C	0.160	0.143	1.090	0.515	2.307	0.819	C	0.109	0.158	0.496	0.213	1.158	1.009	C	0.144	0.166	0.847	0.743	0.967	0.616	C	0.137	0.139	0.887	0.711	0.969	0.952
10	rs3851257	44709171	10q11	T	0.229	0.167	1.390	0.739	2.939	0.356	T	0.163	0.204	0.656	0.343	1.257	0.220	T	0.323	0.343	0.912	0.823	1.011	0.659	T	0.347	0.330	0.977	0.857	1.354	0.330
10	rs12573558	44712128	10q11	A	0.139	0.102	1.397	0.622	3.134	0.423	A	0.141	0.105	1.991	0.710	5.584	0.184	A	0.170	0.178	1.005	0.887	1.138	0.924	A	0.210	0.191	1.118	0.854	1.467	0.442
10	rs11239359	44714402	10q11	T	0.099	0.122	0.736	0.927	1.658	0.461	T	0.065	0.099	0.373	0.125	1.117	0.071	T	0.069	0.119	0.815	0.699	0.950	0.006	T	0.087	0.077	1.050	0.783	1.732	0.487
10	rs2209067	44716469	10q11	A	0.207	0.142	1.571	0.775	3.179	0.188	A	0.196	0.132	1.801	0.785	4.132	0.150	A	0.179	0.179	1.001	0.894	1.134	0.981	A	0.211	0.191	1.130	0.882	1.481	0.406
10	rs1704219	44729958	10q11	C	0.347	0.255	1.527	0.848	2.752	0.182	C	0.294	0.276	0.978	0.513	1.885	0.909	C	0.308	0.328	0.912	0.821	1.012	0.688	C	0.336	0.314	1.00	0.872	1.388	0.431
10	rs7907196	44730985	10q11	C	0.243	0.133	2.166	1.054	4.451	0.044	C	0.228	0.178	1.589	0.750	3.365	0.259	C	0.209	0.209	0.998	0.887	1.124	0.966	C	0.248	0.237	1.062	0.824	1.369	0.632
10	rs1746043	44732825	10q11	C	0.347	0.255	1.527	0.848	2.752	0.182	C	0.294	0.276	0.978	0.513	1.885	0.909	C	0.310	0.333	0.895	0.807	0.994	0.026	C	0.336	0.312	1.08	0.878	1.368	0.421
10	rs647419	44734985	10q11	T	0.347	0.276	1.412	0.779	2.558	0.264	T	0.272	0.250	1.365	0.679	2.741	0.395	A	0.353	0.372	0.919	0.831	1.016	0.075	A	0.373	0.350	1.101	0.875	1.384	0.430
10	rs89796	44737036	10q11	C	0.319	0.255	1.312	0.737	2.335	0.370	C	0.250	0.237	0.938	0.469	1.875	0.854	C	0.267	0.290	0.889	0.797	0.990	0.021	C	0.284	0.249	1.193	0.930	1.530	0.200
10	rs617019	44737246	10q11	T	0.090	0.112	0.700	0.927	1.717	0.504	T	0.065	0.105	0.367	0.123	1.092	0.059	A	0.103	0.127	0.792	0.681	0.921	0.003	A	0.084	0.076	1.127	0.745	1.705	0.560
10	rs11755733	44737433	10q11	G	0.194	0.122	1.589	0.781	3.232	0.214	G	0.185	0.132	1.829	0.747	4.478	0.177	G	0.163	0.162	1.005	0.883	1.143	0.951	G	0.197	0.170	1.188	0.894	1.578	0.263
10	rs583489	44738688	10q11	C	0.208	0.184	1.129	0.597	2.136	0.725	C	0.120	0.132	0.643	0.288	1.433	0.254	G	0.111	0.138	0.779	0.673	0.902	0.003	G	0.090	0.084	1.099	0.736	1.641	0.648
10	rs676966	44739594	10q11	A	0.111	0.133	0.763	0.347	1.677	0.517	A	0.065	0.118	0.356	0.127	1.097	0.046	T	0.105	0.127	0.803	0.691	0.934	0.005	T	0.087	0.076	1.175	0.779	1.773	0.437
10	rs494207	44741256	10q11	T	0.208	0.184	1.129	0.597	2.136	0.725	T	0.120	0.132	0.643	0.288	1.433	0.254	A	0.111	0.138	0.779	0.672	0.902	0.003	A	0.092	0.084	1.121	0.752	1.672	0.570
10	rs541483	44746395	10q11	C	0.208	0.235	0.834	0.449	1.552	0.538	C	0.163	0.158	0.780	0.364	1.674	0.508	G	0.159	0.189	0.809	0.712	0.918	0.002	G	0.139	0.134	1.049	0.751	1.465	0.768
10	rs355176	44747059	10q11	A	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	A	0.163	0.171	0.718	0.345	1.496	0.365	T	0.159	0.189	0.809	0.712	0.918	0.002	T	0.139	0.134	1.049	0.751	1.465	0.768
10	rs622472	44749211	10q11	G	0.261	0.276	0.917	0.520	1.618	0.775	G	0.163	0.171	0.718	0.345	1.496	0.365	C	0.159	0.189	0.809	0.712	0.918	0.002	C	0.139	0.134	1.049	0.751	1.465	0.768
10	rs13391	44749708	10q11	G	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	G	0.163	0.171	0.718	0.345	1.496	0.365	C	0.159	0.189	0.807	0.710	0.917	0.002	C	0.139	0.134	1.049	0.751	1.465	0.768
10	rs11239356	44749854	10q11	C	0.299	0.327	0.896	0.520	1.542	0.703	C	0.304	0.322	0.984	0.516	1.675	0.920	C	0.348	0.329	1.085	0.981	1.200	0.095	C	0.311	0.345	0.860	0.691	1.085	0.226
10	rs687175	44751910	10q11	G	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	G	0.163	0.171	0.718	0.345	1.496	0.365	C	0.157	0.188	0.802	0.706	0.911	0.002	C	0.134	0.133	1.018	0.727	1.426	0.918
10	rs559580	44752078	10q11	C	0.204	0.235	0.818	0.439	1.522	0.523	C	0.156	0.158	0.750	0.348	1.618	0.464	C	0.155	0.187	0.794	0.698	0.903	0.002	C	0.129	0.128	1.017	0.722	1.432	0.931
10	rs559469	44752118	10q11	G	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	G	0.163	0.171	0.718	0.345	1.496	0.365	C	0.159	0.189	0.808	0.711	0.918	0.002	C	0.134	0.133	1.018	0.727	1.426	0.918
10	rs2437935	44752268	10q11	C	0.465	0.449	1.047	0.630	1.738	0.891	C	0.457	0.421	1.093	0.590	2.024	0.773	G	0.378	0.395	0.933	0.845	1.030	0.162	G	0.387	0.368	1.091	0.866	1.375	0.478
10	rs355949	44752330	10q11	A	0.271	0.271	0.992	0.566	1.738	0.956	A	0.163	0.187	0.706	0.344	1.447	0.339	T	0.157	0.188	0.803	0.707	0.913	0.002	T	0.134	0.133	1.018	0.727	1.426	0.918
10	rs671765	44752976	10q11	C	0.264	0.265	0.981	0.556	1.732	0.911	C	0.163	0.171	0.718	0.345	1.496	0.365	G	0.157	0.188	0.803	0.707	0.913	0.002	G	0.134	0.133	1.018	0.727	1.426	0.918
10	rs501120	44753867	10q11	G	0.268	0.276	0.946	0.536	1.671	0.847	G	0.163	0.171	0.718	0.345	1.496	0.365	C	0.157	0.188	0.803	0.707	0.913	0.002	C	0.134	0.133	1.018	0.727	1.426	0.918
10	rs579058	44755104	10q11	C	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	C	0.163	0.178	0.678	0.334	1.378	0.283	G	0.157	0.188	0.803	0.707	0.913	0.002	G	0.134	0.133	1.018	0.727	1.426	0.918
10	rs604674	44756894	10q11	A	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	A	0.163	0.178	0.678	0.334	1.378	0.283	T	0.157	0.188	0.803	0.707	0.913	0.002	T	0.134	0.133	1.018	0.727	1.426	0.918
10	rs487465	44758197	10q11	G	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	G	0.163	0.178	0.678	0.334	1.378	0.283	C	0.157	0.188	0.803	0.707	0.913	0.002	C	0.134	0.133	1.018	0.727	1.426	0.918
10	rs475926	44760887	10q11	C	0.380	0.354	1.078	0.623	1.866	0.783	C	0.294	0.273	0.951	0.497	1.818	0.875	G	0.309	0.334	0.890	0.803	0.987	0.025	G	0.329	0.303	1.128	0.892	1.427	0.338
10	rs1632484	44773984	10q11	A	0.229	0.255	0.843	0.467	1.523	0.593	A	0.163	0.171	0.687	0.337	1.399	0.302	T	0.152	0.183	0.799	0.703	0.910	0.002	T	0.131	0.126	1.048	0.744	1.476	0.801
10	rs1746048	44775824	10q11	T	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	T	0.163	0.171	0.687	0.337	1.399	0.302	T	0.154	0.186	0.797	0.701	0.906	0.002	T	0.132	0.133	1.003	0.716	1.406	0.985
10	rs1746049	44776310	10q11	T	0.264	0.276	0.930	0.527	1.641	0.792	T	0.163	0.171	0.687	0.337	1.399	0.302	T	0.152	0.183	0.800	0.703	0.910	0.002	T	0.132	0.131	1.018	0.727	1.427	0.923
10	rs1746052	44778546	10q11																												