

SI Table S4. Raw correlation matrix of DNA modification and transcriptome data for young, middle aged, and old individuals used for Figure 4.

Correlation matrix for the methylome domain plot (Figure 4A)

11	0.117	0.175	-0.228	-0.254	-0.231	-0.176	0.028	0.083	0.204	0.065	1.000	young
	-0.092	0.432	-0.364	-0.426	-0.236	-0.040	-0.065	-0.183	0.020	0.072	1.000	middle
	0.023	0.233	-0.169	-0.254	-0.090	0.173	0.149	-0.196	0.085	-0.030	1.000	old
10	-0.090	0.086	0.008	0.017	0.042	-0.001	-0.271	0.138	0.522	1.000	0.065	
	0.169	0.250	-0.167	-0.324	-0.264	-0.116	-0.069	-0.053	0.653	1.000	0.072	
	0.119	0.292	-0.072	-0.476	-0.248	-0.360	-0.439	-0.348	0.564	1.000	-0.030	
9	-0.044	0.155	-0.137	0.012	-0.046	-0.020	-0.115	0.637	1.000	0.522	0.204	
	-0.119	0.474	-0.215	-0.195	-0.148	-0.120	-0.049	-0.186	1.000	0.653	0.020	
	0.030	0.416	0.000	-0.208	-0.238	-0.145	-0.247	-0.331	1.000	0.564	0.085	
8	-0.236	-0.206	0.080	0.307	0.173	0.009	0.022	1.000	0.637	0.138	0.083	
	0.211	-0.297	0.149	0.190	-0.017	0.115	0.112	1.000	-0.186	-0.053	-0.183	
	-0.074	-0.285	0.008	0.325	0.137	0.176	0.239	1.000	-0.331	-0.348	-0.196	
7	0.021	-0.179	0.114	0.056	-0.025	0.239	1.000	0.022	-0.115	-0.271	0.028	
	0.131	-0.291	0.366	0.226	0.009	0.163	1.000	0.112	-0.049	-0.069	-0.065	
	0.044	-0.295	-0.072	0.243	0.343	0.411	1.000	0.239	-0.247	-0.439	0.149	
6	0.096	-0.399	0.194	0.096	0.173	1.000	0.239	0.009	-0.020	-0.001	-0.176	
	0.152	-0.491	0.308	0.266	0.397	1.000	0.163	0.115	-0.120	-0.116	-0.040	
	-0.044	-0.386	0.146	0.275	0.365	1.000	0.411	0.176	-0.145	-0.360	0.173	
5	-0.386	-0.408	0.398	0.699	1.000	0.173	-0.025	0.173	-0.046	0.042	-0.231	
	-0.213	-0.363	0.311	0.432	1.000	0.397	0.009	-0.017	-0.148	-0.264	-0.236	
	-0.072	-0.350	0.129	0.518	1.000	0.365	0.343	0.137	-0.238	-0.248	-0.090	
4	-0.488	-0.353	0.416	1.000	0.699	0.096	0.056	0.307	0.012	0.017	-0.254	
	-0.122	-0.472	0.546	1.000	0.432	0.266	0.226	0.190	-0.195	-0.324	-0.426	
	-0.339	-0.113	0.141	1.000	0.518	0.275	0.243	0.325	-0.208	-0.476	-0.254	
3	-0.264	-0.377	1.000	0.416	0.398	0.194	0.114	0.080	-0.137	0.008	-0.228	
	-0.029	-0.526	1.000	0.546	0.311	0.308	0.366	0.149	-0.215	-0.167	-0.364	
	-0.184	-0.164	1.000	0.141	0.129	0.146	-0.072	0.008	0.000	-0.072	-0.169	

	0.044	1.000	-0.377	-0.353	-0.408	-0.399	-0.179	-0.206	0.155	0.086	0.175
2	-0.233	1.000	-0.526	-0.472	-0.363	-0.491	-0.291	-0.297	0.474	0.250	0.432
	-0.145	1.000	-0.164	-0.113	-0.350	-0.386	-0.295	-0.285	0.416	0.292	0.233
1	1.000	0.044	-0.264	-0.488	-0.386	0.096	0.021	-0.236	-0.044	-0.090	0.117
	1.000	-0.233	-0.029	-0.122	-0.213	0.152	0.131	0.211	-0.119	0.169	-0.092
	1.000	-0.145	-0.184	-0.339	-0.072	-0.044	0.044	-0.074	0.030	0.119	0.023
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11

Correlation matrix for the transcriptome domain plot (Figure 4B)

11	0.082	-0.254	-0.325	-0.244	0.583	0.250	0.581	-0.100	-0.298	0.052	1.000	young
	-0.132	-0.316	-0.525	-0.192	0.510	-0.019	0.534	0.011	-0.202	0.319	1.000	middle
	-0.265	-0.204	-0.224	-0.014	0.636	0.206	0.695	0.249	-0.409	0.458	1.000	old
10	-0.063	0.051	-0.056	-0.037	-0.012	-0.036	-0.034	0.839	0.767	1.000	0.052	
	-0.022	0.035	-0.160	0.054	0.325	-0.022	0.174	0.168	0.174	1.000	0.319	
	-0.194	0.015	-0.177	0.051	0.410	0.383	0.282	0.322	0.117	1.000	0.458	
9	0.015	0.327	0.099	0.102	-0.406	-0.005	-0.355	0.852	1.000	0.767	-0.298	
	-0.104	0.073	0.266	0.116	-0.519	0.056	-0.411	0.352	1.000	0.174	-0.202	
	0.288	0.234	-0.234	-0.183	-0.504	-0.151	-0.532	0.263	1.000	0.117	-0.409	
8	-0.069	0.124	0.116	0.015	-0.185	-0.051	-0.149	1.000	0.852	0.839	-0.100	
	0.061	0.106	0.199	0.009	-0.095	-0.078	-0.256	1.000	0.352	0.168	0.011	
	-0.260	-0.172	-0.113	-0.062	0.147	0.177	0.033	1.000	0.263	0.322	0.249	
7	0.072	-0.457	-0.429	-0.440	0.614	0.505	1.000	-0.149	-0.355	-0.034	0.581	
	-0.209	-0.283	-0.613	-0.150	0.648	0.194	1.000	-0.256	-0.411	0.174	0.534	
	-0.312	-0.300	-0.222	-0.013	0.692	0.303	1.000	0.033	-0.532	0.282	0.695	
6	0.179	0.204	0.136	-0.107	0.372	1.000	0.505	-0.051	-0.005	-0.036	0.250	
	0.047	0.306	0.185	0.001	0.152	1.000	0.194	-0.078	0.056	-0.022	-0.019	
	-0.153	0.123	0.216	0.263	0.500	1.000	0.303	0.177	-0.151	0.383	0.206	
5	0.092	0.009	-0.147	0.065	1.000	0.372	0.614	-0.185	-0.406	-0.012	0.583	
	0.033	0.120	-0.348	0.159	1.000	0.152	0.648	-0.095	-0.519	0.325	0.510	
	-0.289	0.112	0.098	0.346	1.000	0.500	0.692	0.147	-0.504	0.410	0.636	

4	-0.037	0.710	0.454	1.000	0.065	-0.107	-0.440	0.015	0.102	-0.037	-0.244
	0.017	0.572	0.257	1.000	0.159	0.001	-0.150	0.009	0.116	0.054	-0.192
	-0.139	0.600	0.392	1.000	0.346	0.263	-0.013	-0.062	-0.183	0.051	-0.014
3	-0.037	0.555	1.000	0.454	-0.147	0.136	-0.429	0.116	0.099	-0.056	-0.325
	0.261	0.493	1.000	0.257	-0.348	0.185	-0.613	0.199	0.266	-0.160	-0.525
	0.101	0.392	1.000	0.392	0.098	0.216	-0.222	-0.113	-0.234	-0.177	-0.224
2	0.046	1.000	0.555	0.710	0.009	0.204	-0.457	0.124	0.327	0.051	-0.254
	0.439	1.000	0.493	0.572	0.120	0.306	-0.283	0.106	0.073	0.035	-0.316
	0.428	1.000	0.392	0.600	0.112	0.123	-0.300	-0.172	0.234	0.015	-0.204
1	1.000	0.046	-0.037	-0.037	0.092	0.179	0.072	-0.069	0.015	-0.063	0.082
	1.000	0.439	0.261	0.017	0.033	0.047	-0.209	0.061	-0.104	-0.022	-0.132
	1.000	0.428	0.101	-0.139	-0.289	-0.153	-0.312	-0.260	0.288	-0.194	-0.265
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11