

Table S5 - Primers for PCR and sequencing of key regions of the *S. mediterranea* mitochondrial genome.

Gel	Lane	Fwd Primer	Rev Primer	Start	Stop	predicted insert	size from gel
SmedSxl	1	cgtgagtcctcagtcgtgtatgagtggtgg	acaatccacaacagactgaagaaaaacc	8456	10172	1716	~1.7kb
SmedSxl	2	cgatttaaaatacgaactttggaggtttgag	ggttgtttatatgacgataataaactcgacc	8299	9989	1690	~1.6kb
SmedSxl	3	ggatggtgagttgtgtttgtattacagatgcc	ctttaacaatcaagaaccaaaacaaaagacc	8560	9865	1305	~1.3kb
SmedSxl	4	gtgtttgggtttgattagagtattttaaagg	ccaaaaagaattagaagtatgaaccattaagc	8657	9754	1097	~1.1kb
SmedSxl	5	ggtttttcttcagtcgtgttggtgattg	caacaacatcaggttagagaccac	10143	13941	3798	~5kb
SmedSxl	6	ggtcttttggttggtttcttgattgttaaag	caacaacatcaggttagagaccac	9834	13941	4107	~6kb
SmedSxl	7	atgttttccacacttctccctgtctc	catagcaatacaaaagtgaaccgcagaagctggc	13132	21843	8711	>12kb
SmedSxl	8	atgttttccacacttctccctgtctc	ctcaaaagaagcggcgaaacgaaagcggc	13132	21348	8216	>12kb
SmedAsxl	1	gtctgtttatgagtggtggtttgattctaagg	ggaaaacctgtgagagtcacatacaatacc	8461	9484	1023	~1kb
SmedAsxl	2	ggttggattttgggttacaataggtttcg	cagcactaaagtcaaaaccaagtacataaccc	8421	9371	950	~1kb
SmedAsxl	3	ggatggtgagttgtgtttgtattacagatgcc	ggaaaacctgtgagagtcacatacaatacc	8554	9484	930	~1kb
SmedAsxl	4	gcaactttacattgtcctgttattagctcc	cagcactaaagtcaaaaccaagtacataaccc	8736	9340	604	~.6kb
SmedAsxl	5	gtctgtttatgagtggtggtttgattctaagg	gctaccttctgacagtcaggactactgcagc	8461	13958	5497	~5.5kb
SmedSxl specific	Sxl	atgttttccacacttctccctgtctc	caacaacatcaggttagagaccac	13132	13941	809	~.8kb
SmedSxl specific	Asxl	atgttttccacacttctccctgtctc	caacaacatcaggttagagaccac	na	na	0	0