

Table S1. Primers used in this study

Primer identification	Sequence (5'-3')
Pr1002	TGTCGTTCCCTGTTATTCCTTTACAAACCAGTTAGAAATGATGTG
Pr1203	ATGTCCAAGCTAAACCTGTTTACCCTCGACTATTATTTTCAGACTA
Pr1235	AATCCCTAAATGTCGTTCTCGAGATTCCTTTAAGAGATGT
Pr1236	CTACTTACAGCGGCCGCTTCGAGTTTTTCCAGGATTTT
Pr1237	ATTTATTTATGAAATAGCTAGCAAATTTTCGATTACACAA
Pr1238	TTGTGTAATCGAAATTTTGCTAGCTATTTTCATAAATAAAT
Pr1293	TGGATAATTTGACCAGGCATAGAACCTA
Pr1298	AGCTAACTTAAAAGCATTAGTGATAGAA
Pr1299	CTTAGAAGCCAGCCTGTTGAG
Pr1307	TGTAAGCATATGTCAGAATCCCTAAATGTCGTT
Pr1370	GTGAAGATTTGCCTAGGTTTGGGCTTATTCCAGAAT
Pr1425	TGGTTTGGCTGCGAGTATG
Pr1426	CCACCTAAAGGCTGATGAATC
Pr1427	AAGCACAGAATGGATAAGGTCAG
Pr1428	GAATAAGCCCAAATCTAGTCAAATC
Pr1429	GCTATGCCGCCTTCTTCATC
Pr1430	CTTTTAACTTTTGCCCTCTTACCC
Pr1529	ATAAAAAGGAAAACCTAATAATGTCAGAACCCTAAATGT
Pr1607	GCACCGATATCCTAGGGGTTCTGGCAAATATTCTGAAATG
Pr1608	AAGGCCGATATCTCGAGGATCCCCGGGTACCAATTGCATGAATACTGTTTCC
Pr1642	GCTAAACCTAGGCTACTTAAGCAAATGGGA
Pr1643	AAATAGAACCTAGGAATAATGTTAGCGAATT
Pr1644	ACTAGATTATTAGTTATCATTATTAAGTTTTCTTTTTAT
Pr1645	ATAAAAAGGAAAACCTAATAATGATAACTAATAATCTAGT
Pr1658	TTTTACAGCGTCTTTAAGACC
Pr1667	GTGTCACCCGGGAAATATCAAAAACTCTCTCT
Pr1690	TTTCTCGGGTACCAATTGCATTATTAAGTTTTCT
Pr1691	GACATAGGGTACCAATTGCATAAATTACATCCTCC
Pr1699	ATTTATACCCTAGGGAAAAGTGAAAGACCAAG
Pr1700	AACTAGTGGTACCAATTGCATTTATAACCTCTCTT
Pr1701	GTGACGTACCTAGGCACTCAGCTAATCTTGT
Pr1702	GAACAATATGGTACCAATTGCATTTTAGTAAGTTGACTTCC
Pr1703	CTTGGTGACCTAGGGAAAGAATCTATAGATGC
Pr1704	CACTTACTAATGGTACCAATTGCATGTTTTTAAACTCCTT
Pr1705	TCCAGTTACCTAGGCCGTAAAATTGAATCGGA
Pr1706	TTACTGAAGGTACCAATTGCATTATTTTCCCCTAAG
Pr1732	GCTAGCTAATGCAATTGGTACCGAATGTGTTATCCTCAAT
Pr1733	GCCAACTGCTCGAGCGAGACTTCTCTAAACCTT
Pr1812	CATGAACAAGAGTGAATTAGTAAGTGC
Pr1813	CAAAACCTACTAGAGTTACGCTATCACC
Pr3110	GATCCTCTAGAAGCGGCCGCCATGGTACCGGGCGCGCCCTCGAGGCTAGCG
Pr3111	AATTCGCTAGCCTCGAGGGCGCGCCCGGTACCATGGCGGCCGCTTCTAGAG
Pr3230	ATAGCGGCCGCTCAGAACCCTAAATGTCGTT
Pr3231	AGTGGCGCGCCAATGCAGTGTTC AACAGTTAAATA
Pr5476	ATAGCGGCCGCACTAATAATCTAGTTCCTACCGTAATTG

Pr5477 AGTGGCGCGCCGTAAGTTGACTTCCTTTAATTATTTAATAA
Pr5478 ATAGCGGCCGCGCTAAAATTCTATATTGTTCTTTTTGT
Pr5479 AGTGGCGCGCCACATCCTCCTGTAAATTATTAGATTATAT
Pr6434 ATAGCGGCCGCGCAGGAATTTGAGAATGAACAATTCTA
Pr6435 AGTGGCGCGCCGTAGGTTTTTAATCTTAAGATAAAAATATCT
Pr7259 CGGAATTCAGGAGGATTACATATGTCAGAACCCCTAAATGTCGTT
Pr7260 GGGGTACCCTAATGATGATGATGGTGATGAAAACTCTCTCTAAAACCTCTT
Pr7261 CATGCCATGGGCATTAGAAAAAGTATTTTAGTAG
Pr7262 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGGAACCTCTTTTATTACCACATCTA
Pr7263 CATGCCATGGGCAGTAAAGAAATTAGATAACAATC
Pr7264 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGAGATTTTATTGATATCTTTTTAG
Pr7405 CGACGCGTATGATTAGAAAAAGTATTTTAGTAGAA
Pr7406 CCCCCGGGCTAATGATGATGATGGTGATGGAACCTCTTTTATTACCACATCTA
Pr7407 CGACGCGTATGAGTAAAGAAATTAGATAACAATC
Pr7408 CCCCCGGGCTAATGATGATGATGGTGATGAGATTTTATTGATATCTTTTTAG
Pr7409 CGACGCGTATGTCAAATATTCCTAAAGAATTAAAG
Pr7410 CCCCCGGGCTAATGATGATGATGGTGATGATCCTCAAGAGTTTTTGCATAAGC
Pr7411 CGACGCGTATGAACAATTCTAAGATTATTACAATTG
Pr7412 CCCCCGGGCTAATGATGATGATGGTGATGAATAGTTATTTTTTTAATAACAC
Pr7516 CATGCCATGGGCTCAAATATTCCTAAAGAATTAAAG
Pr7517 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGATCCTCAAGAGTTTTTGCATAAGC
Pr7518 CATGCCATGGGCAACAATTCTAAGATTATTACAATTG
Pr7519 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGAATAGTTATTTTTTTAATAACAC
Pr7522 CATGCCATGGGCGCTAAAATTCTATATTGTTCTTTT
Pr7523 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGGATTATATCTTTTAATTGTTTTTGC
Pr7631 CGACGCGTATGGCTAAAATTCTATATTGTTCTTTT
Pr7632 CCCCCGGGCTAATGATGATGATGGTGATGGATTATATCTTTTAATTGTTTTTGC
Pr7751 CATGCCATGGGCTCTAGAAGATACTGCGTCATAAA
Pr7752 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGAATATTTATGTACTTGTGTTCAAG
Pr7755 CATGCCATGGGCCCGACAGCAGATAAGGAACTAT
Pr7756 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGAAGAACTGAAAATAAGTTTTTAG
Pr7861 AATCTCGAGACCTTAATTTTGTG
Pr7862 ATGATGATGATGGTGATGGAACCTC
Pr7863 GTTACCTGACAATATAGACAGTGAC
Pr7864 ATGATGATGATGGTGATGAGAT
Pr7865 CATATACCTTCATCTGAAGATATTG
Pr7866 ATGATGATGATGGTGATGGATTAT
Pr8151 GATATGAATTTTATTGTCAAGACAG
Pr8152 ATGATGATGATGGTGATGAATATT
Pr9891 CATGCCATGGGCAAAAAGATAGTTCATCTATTATTAGT
Pr9892 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGGCCACCGAAAGATTTGGTTTTATC
Pr9893 CATGCCATGGGCGGTAGTGGTTTTATGTTTTATAAG
Pr9894 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGCTTTAAATCCCCTTTGTTACCT
Pr9895 CATGCCATGGGCAGAAGTAAGTTATTATTATAGC
Pr9896 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGATTTTGCTGTAAGTATGCATTGAC
Pr9897 CATGCCATGGGCAAAAAGGTTTGTACATTTAATAATA
Pr9898 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGGACACTGCCCTCATAATAAAGTT
Pr9901 CATGCCATGGGCACAAGTAGAAATGTTGATAACCCG
Pr9902 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGAATATTTCTACTTTTCATCTTCATC

Pr9903 CATGCCATGGGCAAAAACTATTATTTATTACGGCT
Pr9904 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGGCTTGGCTTACCTTTACTAAAATC
Pr10075 CATGCCATGGGCGATAAATTTGAATCTATGAAAAGCTT
Pr10076 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGTAATATAGTTATATTCTCGACTAAGT
Pr10077 CATGCCATGGGCAGTGTACAAGTTGGTGTAAATAATGG
Pr10078 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGGTGCTCCCTAGGATCAGGATTTTCC
Pr10081 CATGCCATGGGCTCAGAAGAAAAATTACAACAATCA
Pr10082 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGTAATGTATCTACTTTTACTGTTGCAC
Pr10083 CATGCCATGGGCCAAGTTACTTTAGAGAAAAAAGAAGG
Pr10084 GCGTCGACCTAATGATGATGATGGTGATGGAAGCCAGCCTGTTGAGCTTGCAT
Pr10091 CATGCCATGGGCGGAAAAATAATAGGTATAGATTTAGG
Pr10092 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGTTTTTTGTCGTCTTCAACATCCTC
Pr10093 CATGCCATGGGCTTAATAGATAATAAATCTCTGCCTAC
Pr10094 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGAATGATACTATGGAGAATATCCTTCA
Pr10095 CATGCCATGGGCACTCCATTTTTTAAACTGATAAAA
Pr10096 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGTTTTTTACGACTATTAAAATATTCTC
Pr10097 CATGCCATGGGCTCAGATAACAGATATCAAATTACCA
Pr10098 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGGCTATTAGCTAGATTACAATATAATG
Pr10099 CATGCCATGGGCAATAAATCTAAAACTCTTACTATTT
Pr10100 CGGAATTCCTAATGATGATGATGGTGATGTTTTACAACACTGACAACAACATTT
Pr10246 CAGTTGGTTTTGCAATTGAAGATTTT
Pr10247 ATGATGATGATGGTGATGAAGAAC
Pr10256 CATGATGCTCAGCACTTACTATTAG
Pr10257 ATGATGATGATGGTGATGAATGAT