

Mix	Locus	GenBank	Repeat motif	F- and R-primers, 5'-3'	Label	Final conc.	Range	Original LG ⁴
A	Bfg023	EU334917	(AC) ₂₀	AATTTGGAGATATGGAGGGTT TTGGACGTGCTTGTACC	HEX	0,4 mM 0,4 mM	103-120	LG7
	Bfg183	EU335004	(TG) ₉	AGCCTGAAATGTGGCAGAAG GTCCCATTAGAAGTCGCTGATT	FAM	0,2 mM 0,2 mM	109-164	LG7
	Bfg145	EU334986	(TCTA) ₂₉	CAAACCTCAGGCATATTCGTTCA TAGATTTGACAGTGGAGCAGGA	ATTO550	0,5 mM 0,5 mM	177-216	LG7
	Bfg037	EU334923	(TCT) ₂₅	CTCTCACTTCTGTTGGGCTAT CTTCGTCCAGTTGGGCAG	ATTO620	0,5 mM 0,5 mM	224-236	LG7
	Bfg059	EU334940	(ACTC) ₈	ACAAATCGAAGGGAGAATGAAG AATTAGAGCCTGTGTGATGGG	HEX	0,4 mM 0,4 mM	288-308	LG7
	Bfg009	EU334910	(ATC) ₉	CAACTGCTCCTGATCCTTATCC TCAGTGGTCTCTAGTAATGCCT	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	311-332	LG7
B	Bfg133	EU334980	(GAGT) ₁₁	TGGCATGAAATGCTGATCCT GGCCCTTGAGGCGATTTA	ATTO550	0,2 mM 0,2 mM	119-157	LG7
	Bfg025	EU334918	(GA) ₁₁	CGTAACATAACCGATAACAC ACGATGTCCTGATGTAGAC	FAM	0,5 mM 0,5 mM	187-189	LG7
	Bfg204	EU335012	(TCTT) ₄ (TCTT) ₇	AGAAAGTCCCCTAACAGTGCAG AGGAATACACATGCCTCCCTTA	HEX	0,3 mM 0,3 mM	208-326	LG7
	Bfg237	EU335030	(GATA) ₁₉	GGATTCTACGGATCTTTGGACA CCTTCCATTCTGTTTGTAGGC	ATTO620	0,6 mM 0,6 mM	214-277	LG7
	Bfg165	EU334997	(TG) ₃₈	GCGTGTGGGTAGAAGGAATAG ATAAAAGCAATGGGTATGCAC	FAM	0,2 mM 0,2 mM	243-338	LG7
	Bfg028	EU334919	(CT) ₈	GCTCCCATTCTTCTCTCTTTC TAAACACCTTGCGGAGTAAAGC	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	272-278	LG7
	Rt2Ca2-22 ³	AF447865	(AC) ₁₀	CGCCTTACAAGAGGTGGAG AGACTCCCTTACAGGCATGG	FAM	0,1 mM 0,1 mM	88-118	LG7
C	Bfg076	EU334949	(GATA) ₂₂	CGTAAAGGACAGATGATAGATGGA GAGCCATAGAAGGAACATGAC	ATTO620	0,25 mM 0,25 mM	134-177	LG3
	Bfg135 ¹	EU334982	(ATCT) ₁₉	CAGAGAACCCTTAGAAACCTCTTG CAAAACTCAAAGCTACTGTCCGG	ATTO620	0,25 mM 0,25 mM	212-264 / 339-400 ¹	LG9
	Bfg161	EU334996	(AGAA) ₁₅	TCTCCAATGAACAGGAAGCAC GCAGCAACAACCTGATTAGAAA	FAM	0,1 mM 0,1 mM	176-228	LG6
	Bfg063	EU33494	(TTCA) ₇	GGAAAGAAAATCGCTCCATCTA TTGGGTTTGATAGCCTCTTGT	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	90-159	LG13
	Bfg074	EU334948	(GATA) ₁₅	GGGAGGTTAAAGACGTGGCTTA ACAGGCGGGAATCTGTGTT	ATTO550	0,25 mM 0,25 mM	220-337	LG4
	Bfg213	EU335017	(GT) ₇ (GT) ₅	TTTTAGGAGTCGCCATCAGT CACACTTACCCTCAGCCTCTC	HEX	0,1 mM 0,1 mM	132-136	LG10
Bfg095	EU334959	(GT) ₁₄	GTATATGTGCAGAAGCGGTC ATCATTCCAAAACGGGTTCA	HEX	0,25 mM 0,25 mM	228-253	LG14	
D	Bfg008	EU334909	(AC) ₉	ACGTAGTTCCCTTTTGCACC ACAAGCATGAGGTGTGATTGC	ATTO620	0,35 mM 0,35 mM	157-166	LG8
	Rtemp10 ²	AF297981	(GT) ₂₃	ACAATCTTTATGTGAGGAAGC TTCTCAAGACTGACAAAGG	FAM	0,3 mM 0,3 mM	80-103	LG9
	Bfg218	EU335020	(ATC) ₁₃ (ATC) ₄	TCAATGGAGCCCGGAGAT CAGGTAGACTGCACAGGAGGAT	FAM	0,25 mM 0,25 mM	159-224	LG1
	Bfg099	EU334962	(ACTC) ₁₄	CAGTAAGGAATGGATACTAAGC TCCAGTGTAGCATAACAGAGT	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	103-163	LG9
	Bfg253	EU335040	(CCTT) ₁₃	CATGGTAAAAATGGAGAAGGGAC TGCCAGGGTCTAAAGCTCC	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	209-264	LG1
	Bfg006	EU334908	(TCT) ₂₀	TGCTTTCTCCTCTATCAGCAT GCCTTTGACAGACCTTTTA	HEX	0,2 mM 0,2 mM	140-154	LG6
Bfg215	EU335019	(CATT) ₃ (CATT) ₃	GAAAACCACCTGACCTTTAGAA CCAGCTATCGCACCTTTT	HEX	0,3 mM 0,3 mM	192-221	LG12	
E	Bfg097	EU334961	(TC) ₂₃	TCCTAGTTGAGCCTTCAGACA ACTAAGCTATTCTATGGGGAAGT	ATTO620	0,35 mM 0,35 mM	205-229	LG6
	Bfg130	EU334978	(TCTT) ₁₅	GCAGTTTATAGAGGTGGGG ATATCTCCATCCGGTCCA	FAM	0,1 mM 0,1 mM	133-176	LG12
	Bfg051	EU334933	(GAT) ₉	ACTGGTTAGATTGGGCGG TGGCGACAAAGGAATTAGAGTT	FAM	0,2 mM 0,2 mM	201-276	LG4
	Bfg111	EU334966	(AG) ₂₁	GCCATGTGAGAGAGATTCCAG GAGGTTCCCTTTCAGTCTCCTT	ATTO550	0,25 mM 0,25 mM	115-151	LG1
	Bfg060	EU334941	(CT) ₂₃	AAGGACTGGGATATGCTGAAAA CCACTGCAATAGGACATTGAAA	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	213-245	LG5
	Bfg064	EU334943	(AC) ₂₉	CTTGCTGGGTACATTTGATTTA TACACACATTCTCGGCTGCTAT	HEX	0,2 mM 0,2 mM	180-215	LG3
Bfg244	EU335035	(AG) ₁₀ (AG) ₁₄	GTGCTGAAAATTGACGTAGCAA CCTCATTTGTCGGAGTATATGAACA	HEX	0,4 mM 0,4 mM	339-388	LG1	

F	Bfg221	EU335022	(TGAC) ₆	GGACATTTTCTTTGGCTCAACT TGCCCTCACAACCCACTACATAC	ATTO620	0,3 mM 0,3 mM	143-162	LG4
	Bfg003	EU334905	(GA) ₁₉ (AG) ₈	CCCACAAATTAACACACAGGA CCTCCCTCCCCTTATCTCTCTA	ATTO620	0,3 mM 0,3 mM	230-273	LG10
	Bfg122	EU334972	(CA) ₁₄	GCCATTTGTATCCAGTTTCCTC CGAAGATGTCTGCTTGTCTGTT	FAM	0,2 mM 0,2 mM	189-210	LG10
	Bfg112	EU334967	(AC) ₂₁	ATGAACAAGGACTTTCAAGGCA GGGTATAGGACTGTGGATGTGG	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	151-183	LG8
	Bfg250	EU335038	(GATA) ₂₀	CCTGTTAGAGAAGCCGATCATT TTGGACTGGAAGTATTGGGAGT	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	244-304	LG14
	Bfg057	EU334938	(TGAG) ₁₀	AAGGACTTTGCTCGCTTTGTAA GGCGATTAAGTTCGCATTTGT	HEX	0,3 mM 0,3 mM	117-134	LG3
	Bfg124	EU334973	(TCAT) ₁₁	TCAGCTTGGTTGTCAGTTTGT GCATTAGCATTATCTCGGGAAC	HEX	0,1 mM 0,1 mM	301-391	LG9
G	Bfg238	EU335031	(TGAG) ₄	TGTTGATCCTTTTGCCTACCT AAAACCCACCTAATCTGAAGGC	ATTO620	0,25 mM 0,25 mM	177-185	LG11
	Bfg048	EU334931	(ACT) ₈	GCCCACCACAACCTACCCTACT CCAGGTTGAAGGCAATTTTGTGTA	ATTO620	0,3 mM 0,3 mM	347-363	LG13
	Bfg232	EU335027	(AAGA) ₃₂	ACCCTGCACTTGACTATGTAA CAATCAACCGTGTATAGAAGAG	FAM	0,2 mM 0,2 mM	275-310	LG14
	Bfg195	EU335007	(GT) ₁₆	CTGACTATTTGTGTGCCTCGAA TTTTCCAGTGTGGTTTCATACG	FAM	0,4 mM 0,4 mM	109-126	LG3
	Bfg203	EU335011	(TTCT) ₂₃ (TTCT) ₄	ATATCTTCCCTTTCCCTTTCA GCAACAGAGCAGACAGAGAGAG	ATTO550	0,1 mM 0,1 mM	183-242	LG11
	Bfg055	EU334937	(AGTG) ₄	TTAGGGCCGGTTCATACAATAC GTTTGCATTTGTTGCGCTATAC	HEX	0,1 mM 0,1 mM	127-140	LG5
	Bfg046	EU334929	(TG) ₂₉	GGAGCATTGGAAGAACAACAAT GTTTGCGTAGGTAGGCCATGT	HEX	0,2 mM 0,2 mM	201-273	LG8