

	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GCGCAGCGTT	TGCTCTCTCG	TCTACGCGG	CCCGGCGCCT	CCCCGCTCCG	AGTTCGGGGA	GGGATCACGC	GGGGCAGAGC	CTGTCTGTGC	TCCTGCCGTT	GCTGCGGAGC	GCTGCGGAGC
Homo_sapiens_U13369	ACCGCAGGGC	CCCCTCCCTT	CCCCAGGCGT	CCCTCGGCGC	CTCTGCGGGC	CCGAGGAGGA	GCGGCTGGCG	GGTGGGGGGA	GTGTGACCCA	CCCTCGGTGA	GAAAAGCCTT	GAAAAGCCTT
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777778	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	ATGTGGCTCG	GCTTGTGTGG	TTGGTGGCTG	GGGAGAGGGC	TCCGTGCACA	CCCCCGCGTG	CGCGTACTTT	CCTCCCTCC	TGAGGGCCGC	CGTGCAGGAC	GGTGTGGGT	GGTGTGGGT
Homo_sapiens_U13369	CTCTAGCGAT	CTGAGAGGCG	TGCCTTGGGG	GTACCGGATC	CCCCGGGCCG	CCGCTCTGT	CTCTGCCTCC	GTTATGGTAG	CGCTGCCGTA	GCGACCCGCT	CGCAGAGGAC	CGCAGAGGAC
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	8888888888	8888888888	8888888889	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999
	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	AGGCGACGGT	GGGCTCCCGG	GTCCCCACCC	GTCTTCCCGT	GCCTCACCCG	TGCCTTCCGT	CGCGTGCCTC	CCTCTCGCTC	GCGTCCACGA	CTTTGGCCGC	TCCCGCGAGC	TCCCGCGAGC
Homo_sapiens_U13369	CCTCCTCCGC	TTCCCCCTCG	ACGGGGTTGG	GGGGGAGAAG	CGAGGGTTCC	GCCGGCCACC	GCGGTGGTGG	CCGAGTCCGG	CTCGTCGCCT	ACTGTGGCCC	GCGCCTCCCC	GCGCCTCCCC
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	1111111111	1111111112	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
	9999999999	9999999990	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GCGGCCTGCG	CCGCGCGTGG	TGCGTGTGCT	GTGCTTCTCG	GGCTGTGTGG	TTGTGTGCGC	TGCGCCCCCC	CTTCCCGCGG	CAGCGTTCCC	ACGGCTGGGG	AAATCGCGGG	AAATCGCGGG
Homo_sapiens_U13369	CTTCCGAGTC	GGGGGAGGAT	CCCCCGGGGC	CGGGCCCCGC	GCTCCCACCC	AGCGGGTTGG	GACGCGGGCG	CCGCGGGGCG	GTGGGTGTGC	GCGCCCCGCG	CTCTGTCCGG	CTCTGTCCGG
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
	0000000001	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111112
	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	AGTCTCCTT	CCCTCCTCG	GGGTCGAGAG	GGTCCGTGTC	TGGCGTTGAT	TGATCTCGCT	CTCGGGGACG	GGACCGTTCT	GTGGGAGAAC	GGCTGTTGTC	CGCGTCCGGC	CGCGTCCGGC
Homo_sapiens_U13369	CGCGTGACCC	CCTCCGTCCG	CGAGTCGGCT	CTCCGCCCGC	TCCCGTGCCG	AGTCTGACCC	GGTGCCGACG	ACCGCGTTTG	CGTGGCACGG	GGTCGGGCCC	GCCTGGCCCT	GCCTGGCCCT
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CGTGGCGCTC	CTCGGGCGCG	TCGGGGAGGC	TTCCCGGCGG	GCCCGCTCTA	TCCCGCTCCC	CGGCTCGTTC	GGGGTGGCGT	GGGGCGGGCC	GGTGTTCAGG	CACGGGCGAG		
	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	TCTTGCAGCG	TCTTGGAGAG	GGCTGCGTGC	GAGGGGAAAA	GGTTGCCCCG	CGAGGGCAAA	GGAAGAGAG	CTAGCAGTGG	TCATGTGCC	GACGGTGTGG	TGGTCTGTTC		
Homo_sapiens_U13369	GGCCCGGTGG	GCTTCCCGGA	GGGTTCCGGG	GGTCCGCCTG	CGGCCGCTGC	GGGGGAGGAG	ACGGTTCGGG	GGGACCGGCC	GCGGCTGCGG	CGGCGGCGGT	GGTGGGGGGA		
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CACCTCTCGT	CGGACGTTGC	CCACGCACAC	CCACCTGCAC	GTGCGCGTGC	GGTCTTTCCG	CCGCGCCTGG	GGGAAGGGCT	CGCGCCTTCT	CCCTCCTTTC	TTTCTCTCTC		
	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888889	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999
	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GCCGAGGTGC	GTCTGGGGGG	CTCGTCCGGC	CCTGTCTGTC	GTCGGGAAGG	CGCGTGTTCG	GGCCTGCCGG	AGTGCCGAGG	TGGGTACCCT	GGCGGTGGGA	TTAACCCCGC		
Homo_sapiens_U13369	GCCGCGGGGG	TCGCCGAGGG	CCGCTCCGGC	GCCCCGGGTG	CCCCGCGGTG	CCGCCGCGGG	CGGTGAGGCC	CCGCGCGTGT	GTCCCGGCTG	CGGTCGGGCC	CGCTCGAGGG		
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CCCCACCCC	CTTCTCCCA	CCGATCGATG	AGGCCACTCG	GGTCGCGTCG	GAGAGGGCCC	CCGGCGGGCC	GGCGCTCTGC	GCTCCCTGTC	CCAGGGAAGC	CGCGGCGGGC		
	2222222222	2222222222	2222222223	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	9999999999	9999999999	9999999990	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----CTG	CAGCCCCACC	GGGAGTTCCA	GGAGTTCGGG	CAGGGGAGGC	CGGCTCGTCC	CCCGGCACCG	GAGGTCCCCG	GGCCCTTTGG	CGCCCGTTTC	TTGCGAAAGT		
Mus_musculus_NR_046233	GCGCGTGTCC	CGGTGTGGCG	GTGGGGGCTC	CGGTCGATGT	CTACCTCCCT	CTCCCGGAGG	TCTCAGGCCT	TCTCCGCGCG	GGCTCTCGGC	CCTCCCTCG	TTCTCCCTC		
Homo_sapiens_U13369	GTCCCGTGG	CGTCCCTTC	CCCGCCGGCC	GCCTTCTCTG	CGCTTCCCTC	GTCGCCCGG	CCTCGCCCGT	GGTCTCTCTG	CTTCTCCCGG	CCGCTCTTTC	CGAACCGGGT		
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	TCCGGTGTTC	AGGCACGGGC	GGCCTCCTCT	CCAGTTCGCT	TCCGTCGTT	CGCGAGGTGA	GCGCTCGCC	CGCTTGGGCC	GAGGGCGGGC	GCGCGGGCGG	C TTCGGGGCG		
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	0000000000	0000000001	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	GCGGCGCCCG	CGGGGACTTG	CTCGGCCGGG	CCGGGCCCGG	GCGGCCCGGG	GGCCCGGGGG	CCCTCCCGCG	GAGGCCCCGA	TGAGGACGGA	TTCCGCCGGC	CCGCCCGGGC		
Mus_musculus_NR_046233	TCGCGGGGTT	CAAGTCGCTC	GTCGACCTCC	CCTCTCCGTT	CCTTCCATCT	CTCGGCAAT	GGCGCCGCC	GAGTTCACGG	TGGGTTCGTC	CTCCGCTCC	GCTTCTCGCC		
Homo_sapiens_U13369	CGGCGCGTCC	CCCGGGTGGC	CCTCGCTTCC	CGGGCCTGCC	GCGGCCCTTC	CCCGAGGCGT	CGTCCCGGG	CGTCGCGGTC	GGGGAGAGCC	CGTCTCCCC	GCGTGGCGTC		
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CGTGGCCTCG	CGGTGCCGAC	TCGTCTGTTC	GCCCCCCTG	TCGGTGCCCC	AGGGCTCGCC	CGACCGAATC	CAGCTGTGTG	ACGGCCGAGC	GGCCCCGCGA	GCCGACGGCG		
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	1111111112	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222223
	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	CGGAGTTCGG	GGAGCCCGGG	GAGAGGAGCC	GGCGGCCCGG	CCTCTCGGGC	CCCCCGCAGC	ACGCCTCCAT	GCTACGCTTT	TTTGGCATGT	GCGGGCAGGA	AGGTAGGGGA		
Mus_musculus_NR_046233	GGGGGCTGCG	CGCTGTCCGG	TCTCTCTGCG	CCGACCCCGG	TTGGCGTGGT	CTTCTCTGCG	CGGCTTCGCG	GACTCTGGCC	TTGCGCCCGA	GGGTACGGGG	GCTTCCCGGT		

Homo_sapiens_U13369	GCCCCGTTTC	GCGCGCGCGT	GCGCCCCGAGC	GCGGCCCGGT	GGTCCCTCCC	GGACAGGCGT	TCGTGCGACG	TGTGGCGTGG	GTCGACCTCC	GCCTTGCCGG	TCGCTCGCCC
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	TACCCATTTC	GTTGTGAGCG	AGGCGTCGGC	GCTGCCCTCG	TTTCGGGGCC	CGGCGAGTGC	CGGCCGCGAG	CAGCAAGCCG	GCGGGGTGGC	AACCGAGGGA	AACCGCGGGG
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333334	4444444444
	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	AGACCGGCC	TCGGCGCGAC	GGGCGCCCGA	AAAAAGGACC	GGGCGTTTC	CCGCCTCGGT	CCCCGGTCTG	GGAAGGCTCC	GCGGTCGAGT	CTCGCTCCCC	GGCCCGATCG
Mus_musculus_NR_046233	TCCCCGACGT	TGCGCCTCGC	TGCTGTGTGC	TTGGGGGGGG	CCCGCTGCGG	CCTCCGCCCG	CCCGTGAGCC	CCTGCCGCAC	CCGCCGGTGT	GCGGTTTCGC	GCCCGGGTCA
Homo_sapiens_U13369	TCTCCCCGGG	TCGGGGGGTG	GGGCCCGGGC	CGGGGCTCG	GCCCCGGTTC	CTGCCTCCCG	TCCCCGGCGG	GGGCGGGCGC	GCCGCCCGGC	CTCGGTTCGC	CTCCCTTGGC
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	AACCGAGGCG	AAGCGAGCAG	CAGCAGAAGA	AGGAACGAGA	AGACAACGGG	GGGCTGCGCC	CGGCCGAGCG	GGCAGCCCG	GAGCAGCGCG	GCGGTCCCG	CTCCGGATCC
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	5555555555	5555555555
	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	ATCTGGCAAC	CCGCGCCCGG	GCGGGGAGGG	CCCTCTGCC	GGCCGACCCC	CCGGCGGGGC	GGCCGCTACA	CGGGCAGGGA	GGCTCCCTCC	CGCCTCGCCC	CGGGCGCGAC
Mus_musculus_NR_046233	GTTCGGCCCT	GGCGTTGTGT	GCGCTCGGGA	GCGTGTCCCG	CTCGCGCGGG	CTAGACGCGG	TGTCGCGCGG	GCTCCGACGG	GTGGCCTATC	CAGGGCTCGC	CCCCGCCGAC
Homo_sapiens_U13369	CGTCGTGTGG	CGTGTGCCAC	CCCTGCGCCG	GCGCCCGCCG	GCGGGGCTCG	GAGCCGGGCT	TCGGCCGGCG	CCC GGGCCCT	CGACCGGACC	GGCTGCGCGG	GCCTGCGGGC
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GTCGGGGTGT	GGGGGCCGGG	GGCGTCCGCC	GGCCTCTCCT	CCGCTTCCG	GCCGCCGAG	CCCGTGTCCG	TTTTCTGTC	GCGTCCCCCG	CCGTGCGGGA	GCGTGCCGCC
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	6666666666	6666666666	6666666666
	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	CCCCGGACCC	CCCCCGGTC	CGGTCCCGCG	CCGGGCCAC	CCCCCGGCC	GCCCCGGCGG	CCGGGGGGCG	CCCGCGCCCC	CCCCGTGAGT	TCCCCCGCA	CCGTCCGACC
Mus_musculus_NR_046233	CCCCGCCTGC	CGTCCCGGT	GGTGGTGTGT	GGTGTGGGGA	GTGAATGGTG	CTACCGGTCA	TTCCCTCCCG	CGTGGTTTGA	CTGTCTCGCC	GGTGTCCGCG	TTCTCTTTCC
Homo_sapiens_U13369	CGCACGGCCG	GACTGTCCCC	GGGCGGGGCA	CCGCGGTCCG	CCTCTCGTCT	GCCCGCCGGA	CGTGGGGGCG	GCCCCGCGGG	GCGGGCGGAG	CGCCGTCCCC	GCCTCGCCCG
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CCGGGAAAGG	GTCTCCGATC	GTGGGGTTCG	GCCCCGTTCG	AGGTGCGGTT	CTCCTCTAGC	ACGTCCGTCT	CCGGCGGGCG	GGCTTCGTTT	CCCCGTCCGC	TTCTCCGCGG
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666667	7777777777	7777777777	7777777777
	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	CCGGCAGGCG	CCGAAGAAG	GCCCGACAG	GCGGGGAGCC	CGCCCCGGGG	GACCCCGTT	CCCCCGCCG	CGGACTCTCT	TCCCTGGCC	CGGGCCGAGC	ACCCCGTTTC
Mus_musculus_NR_046233	GCCAACCCCC	ACGCCAACCC	ACCACCTGCG	TCTCCCGGCC	CGGTGCGGTC	GACGTTCCGG	CTCTCCCGAT	GCCGAGGGGT	TCGGGATTTG	TGCCGGGGAC	GGAGGGGAGA
Homo_sapiens_U13369	CGCCCGCGGG	CGCCGGCCCG	GCGCGCGCGC	GCGTGGCCCG	CGGTCCCTCC	CGGCCGCCCG	GCGCGGGTCG	GGCCGTCCCG	CTCCTCGCGG	GCGGGCGCGA	GGAAGAAGCG
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GTCCCGGAGG	GCGGGTCAGC	CCCGGCCGGC	CGTGC GGCGC	GAGCGCGAGT	CCGGCTCCCG	CGGGGGGGGC	CCGAGCGTGC	CCGCCGAAAG	CAGCTGCGCA	GCGGTCCCCG
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	---	AAAAGCG	GCCCGGGTGC	CTGCCCTTC	CTTCCCGCT	GTCCTTCCCC	ATGCTGCTGC
Xenopus_laevis_X02995	GCCCGACACC	CGCAGAGCGA	GAGAGAAAGA	CGGAAAGAAA	GGAGAGTAGG	CCGCGGGCCC	CGTCCCGGCC	GCCGCCTCCC	CCCCCCTCC	CCGGGGGGGG	GGAGCGGCAG

Mus_musculus_NR_046233	GCGGGTAAGA	GAGGTGTCCG	AGAGCTGTCC	CGGGGCGACG	CTCGGGTTGG	CTTTGCCCGC	TGCGTGTGCT	CGCGGACGGG	TTTTGTCCGA	CCCCACGGG	GTCGGTCCGG
Homo_sapiens_U13369	TCGCGGGTCT	GTGGCGCGGG	GCCCCCGGTG	GTCGTGTCCG	GTGGGGGGCG	GGTGGTTGGG	GCCTCCGGTT	CGCCCGCGCC	CGCCCCGGCC	CCACCGGTCC	CGGCCCGCGC
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CTCCTTCCCC	GCGGGGGGGA	GGTCGGCGGG	GCCGCCCCGG	GGATCGGGCG	CGCCTCTCCG	TCGTGGTCCG	CGAGCGAGCG	AGCGAGCGAG	GGAACGACGG	AGGGCCGCCC
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999
	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	CCGCACCTTC	CCTGGCCCGG	GGAAAAGGGG	CCTATGGGAC	CACCGAGGGG	CGGGGGGCTG	CGGCGAGGAA	AGTCGCTGGC	CCTTGCCTGG	GGGCCAGTGG	GCGCCTGTCC
Xenopus_laevis_X02995	GCCGGGCGGG	GCCCCCGGCC	CGGACGGGAG	GGCCCCGGCG	CCGGGAGCGC	CGCCGAGGGG	ACGGGCCCGG	GTGACGCCTC	AGGGCGCCGA	CCCCGCCGCC	CCCCCCCCCG
Mus_musculus_NR_046233	CCGCATGCAC	TCFCCCGTTC	CGCGCGAGCG	CCCCGCCCGC	TCACCCCCGG	TTTGTCTCTC	CGCGAGGCTC	TCCGCCCGCG	CCGCCTCCTC	CTCCTCTCTC	GCGCTCTCTG
Homo_sapiens_U13369	CCCCCGCGCC	GCTCGCTCCC	TCCCGTCCCG	CCGTCCCGGG	CCCGTCCGTC	CGTCCGTCGG	TCGTCTCTCT	CGCTTGCGGG	GCGCCGGGGC	CGTCTCTCGG	AGGCCCCCCG
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GCCCCGCCGA	GAGGCGTTCG	CCCCGGCGGC	CGCCGCCGTC	GACCCGGCAA	GGGCCAGACG	GGAAAGCCGA	GCGAGCAGGC	GAGAGAGAGA	GAGAGGGAAG	GAGCGAGAGC
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333334	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	9999999999	9999999999	9999999999	9999999990	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GTGAGGCTAC	CCCTTGCCCC	ACTCTCCCTC	ACCCAAGGAG	CATGGC---T	TCCTGGTTGA	TCCTGCCAGT	AGCATATGCT	TGTCTCAAAG	ATTAAGCCAT	GAATGTCTAA
Xenopus_laevis_X02995	GCCGCCCCCG	GCGCCGCCCG	CCCCGCCCGG	CCCGGGGAAA	GGTGGC---T	ACCTGGTTGA	TCCTGCCAGT	AGCATATGCT	TGTCTCAAAG	ATTAAGCCAT	GCAGGTGTAA
Mus_musculus_NR_046233	TCCCGCCTGG	TCCTGTCCCA	CCCCGACGCG	TCCGCTCGCG	CTTCC---T	ACCTGGTTGA	TCCCTGCCAGT	AGCATATGCT	TGTCTCAAAG	ATTAAGCCAT	GCATGTCTAA
Homo_sapiens_U13369	GCCGGCCGTC	CGGCCGCGTC	GGGGGCTCGC	CGCGCTCTAC	CTTACC---T	ACCTGGTTGA	TCCTGCCAGT	AGCATATGCT	TGTCTCAAAG	ATTAAGCCAT	GCATGTCTAA
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GGTCGGCGGC	GGGCCGGGCC	CGTCGGGTCG	TGCCCCGTGG	CGCGGC---T	ACCTGGTTGA	TCCTGCCAGT	AGCATATGCT	TGTCTCAAAG	ATTAAGCCAT	GCATGTCTAA
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	0000000000	0000000000	0000000001	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	ATACACATGG	CCAGTACAGT	GAAACTGCGA	ATGGCTCATT	AAATCAGTTA	TGGTTCCTTT	GGTCGCTC--	-CAACCGTTA	CTTGGATAAC	TGTGGTAATT	CTAGAGCAAA
Xenopus_laevis_X02995	GTACGCACGG	CCGGTACAGT	GAAACTGCGA	ATGGCTCATT	AAATCAGTTA	TGGTTCCTTT	GATCGCTC--	-CATCTGTTA	CTTGGATAAC	TGTGGTAATT	CTAGAGCTAA
Mus_musculus_NR_046233	GTACGCACGG	CCGGTACAGT	GAAACTGCGA	ATGGCTCATT	AAATCAGTTA	TGGTTCCTTT	GGTCGCTCGC	TCCTCTCCTA	CTTGGATAAC	TGTGGTAATT	CTAGAGCTAA
Homo_sapiens_U13369	GTACGCACGG	CCGGTACAGT	GAAACTGCGA	ATGGCTCATT	AAATCAGTTA	TGGTTCCTTT	GGTCGCTCGC	TCCTCTCCTA	CTTGGATAAC	TGTGGTAATT	CTAGAGCTAA
Rattus_norvegicus_NR_046239	GTACGCACGG	CCGGTACAGT	GAAACTGCGA	ATGGCTCATT	AAATCAGTTA	TGGTTCCTTT	GGTCGCTCGC	TCCTCTCCTA	CTTGGATAAC	TGTGGTAATT	CTAGAGCTAA
Gallus_gallus_KT445934.2	GTACACACGG	GCGGTACAGT	GAAACTGCGA	ATGGCTCATT	AAATCAGTTA	TGGTTCCTTT	GGTCGCTC-C	CCTCCCGTTA	CTTGGATAAC	TGTGGTAATT	CTAGAGCTAA
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	1111111111	1111111112	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	TACATGCTGA	TGAGTGCTGA	CCTCT-----	-----GGGG	ATGTGTGCAT	TTATCAGACC	AAAACCAACC	CAG---GTTT	AC-----	-----	-----CC
Xenopus_laevis_X02995	TACATGCCGA	CGAGCGCTGA	CCCC-----	-----AGGG	ATGCGTGCAT	TTATCAGACC	AAAACCAATC	CGG---GGCC	CC-----	-----	-----GCGCCC
Mus_musculus_NR_046233	TACATGCCGA	CGGGCGCTGA	CCCCCTTCC	CG-GGGGGG	ATGCGTGCAT	TTATCAGATC	AAAACCAACC	CGGTGAGCTC	CCTCCCGGCT	CCGGCCGGGG	GTCGGGCGCC
Homo_sapiens_U13369	TACATGCCGA	CGGGCGCTGA	CCCCCTTCCG	---GGGGGG	ATGCGTGCAT	TTATCAGATC	AAAACCAACC	CGGTGAGCCC	CTCTCCGGCC	CCGGCCGGGG	GCGGGGCGCC
Rattus_norvegicus_NR_046239	TACATGCCGA	CGGGCGCTGA	CCCCCTTCC	CGTGGGGGGA	ACGCGTGCAT	TTATCAGATC	AAAACCAACC	CGGTGAGCCC	CCTCCCGGCT	CCGGCCGGGG	GTCGGGCGCC
Gallus_gallus_KT445934.2	TACATGCCGA	CGAGCGCCGA	CCTCC-----	-----GGGG	ACGCGTGCAT	TTATCAGACC	AAAACCAACC	CGG---GCTC	GC-----	-----	-----CC
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	2222222223	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333334
	9999999999	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GCTGGCTTTG	GTGACTCTAG	ATAACCTAGG	GCCAAATCGCA	TGCCCT-GT	GGTGGTGATA	ATGCATTTGA	ATGTCTGCGC	TATCAACTTT	CAGGGGTACT	TTCTGTGCTT

Xenopus_laevis_X02995	GGCCGCTTTG	GTGACTCTAG	ATAACCTCGG	GCCGATCGCA	CGTCCCC-GT	GACGGCGACG	ATACATTCGG	ATGTCTGCC	TATCAACTTT	CGATGGTACT	TTCTGCGCCT
Mus_musculus_NR_046233	GGCGGCTT-G	GTGACTCTAG	ATAACCTCGG	GCCGATCGCA	CGCCCCCGT	GCGGGCGACG	ACCCATTCTGA	ACGTCTGCC	TATCAACTTT	CGATGGTAGT	CGCCGTGCCT
Homo_sapiens_U13369	GGCGGCTTTG	GTGACTCTAG	ATAACCTCGG	GCCGATCGCA	CGCCCCCGT	GCGGGCGACG	ACCCATTCTGA	ACGTCTGCC	TATCAACTTT	CGATGGTAGT	CGCCGTGCCT
Rattus_norvegicus_NR_046239	GGCGGCTTTG	GTGACTCTAG	ATAACCTCGG	GCCGATCGCA	CGTCCCC-GT	GCGGGCGACG	ACCCATTCTGA	ACGTCTGCC	TATCAACTTT	CGATGGTAGT	CGCCGTGCCT
Gallus_gallus_KT445934.2	GGCGGCTTTG	GTGACTCTAG	ATAACCTCGA	GCCGATCGCA	CGCCCC-GT	GCGGGCGACG	ACCCATTCTGA	ATGTCTGCC	TATCAACTTT	CGATGGTACT	GTCTGTGCCT
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	5555555555
	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	ACCATGGTGA	CCATGGGTAA	CAGGGAATCA	GGGTTTGCTT	CCAGAGAGGG	AGCCTGAGAA	ATGGCTACCA	CATCCAGCAG	GAAGGCAGCA	GGTGTGCAAA	TTACCCACTC
Xenopus_laevis_X02995	ACCATGGTGA	CCACGGGTAA	CGGGGAATCA	GGGTTTCGATT	CCGAGAGAGGG	AGCCTGAGAA	ACGGCTACCA	CATCCA--AG	GAAGGCAGCA	GGCGCGCAAA	TTACCCACTC
Mus_musculus_NR_046233	ACCATGGTGA	CCACGGGTGA	CGGGGAATCA	GGGTTTCGATT	CCGAGAGAGGG	AGCCTGAGAA	ACGGCTACCA	CATCCA--AG	GAAGGCAGCA	GGCGCGCAAA	TTACCCACTC
Homo_sapiens_U13369	ACCATGGTGA	CCACGGGTGA	CGGGGAATCA	GGGTTTCGATT	CCGAGAGAGGG	AGCCTGAGAA	ACGGCTACCA	CATCCA--AG	GAAGGCAGCA	GGCGCGCAAA	TTACCCACTC
Rattus_norvegicus_NR_046239	ACCATGGTGA	CCACGGGTGA	CGGGGAATCA	GGGTTTCGATT	CCGAGAGAGGG	AGCCTGAGAA	ACGGCTACCA	CATCCA--AG	GAAGGCAGCA	GGCGCGCAAA	TTACCCACTC
Gallus_gallus_KT445934.2	ACCATGGTGA	CCACGGGTAA	CGGGGAATCA	GGGTTTCGATT	CCGAGAGAGGG	AGCCTGAGAA	ACGGCTACCA	CATCCA--AG	GAAGGCAGCA	GGCGCGCAAA	TTACCCACTC
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	6666666666
	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	CTGACCCAGG	AAGGTAGTGA	AGAAAAATAA	CAATACAGGA	CTCTTTGAG	CCCTGTAAAT	TGGAAGGAGT	ACACTTTAAA	TCCTTTAATG	AGGATCTATT	GGAGGGCAAG
Xenopus_laevis_X02995	CCGACCCGGG	GAGGTAGTGA	CGAAAAATAA	CAATACAGGA	CTCTTTGAG	GCCCTGTAAAT	TGGAATGAGT	CCACTTTAAA	TCCTTTAACG	AGGATCTATT	GGAGGGCAAG
Mus_musculus_NR_046233	CCGACCCGGG	GAGGTAGTGA	CGAAAAATAA	CAATACAGGA	CTCTTTGAG	GCCCTGTAAAT	TGGAATGAGT	CCACTTTAAA	TCCTTTAACG	AGGATCTATT	GGAGGGCAAG
Homo_sapiens_U13369	CCGACCCGGG	GAGGTAGTGA	CGAAAAATAA	CAATACAGGA	CTCTTTGAG	GCCCTGTAAAT	TGGAATGAGT	CCACTTTAAA	TCCTTTAACG	AGGATCTATT	GGAGGGCAAG
Rattus_norvegicus_NR_046239	CCGACCCGGG	GAGGTAGTGA	CGAAAAATAA	CAATACAGGA	CTCTTTGAG	GCCCTGTAAAT	TGGAATGAGT	CCACTTTAAA	TCCTTTAACG	AGGATCTATT	GGAGGGCAAG
Gallus_gallus_KT445934.2	CCGACCCGGG	GAGGTAGTGA	CGAAAAATAA	CAATACAGGA	CTCTTTGAG	GCCCTGTAAAT	TGGAATGAGT	CCACTTTAAA	TCCTTTAACG	AGGATCTATT	GGAGGGCAAG
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	TCTGGTGCCA	GCAGCCATGT	TAATTCAGC	TCCAATAGCG	TATATTAAG	TTGCTGCAAT	TAAAAAGCTC	GTAGTTGGAT	CTTGGGATCG	AGCTGGCGGT	CCGCCCGGAG
Xenopus_laevis_X02995	TCTGGTGCCA	GCAGCCCGCG	TAATTCAGC	TCCAATAGCG	TATATTAAG	TTGCTGCAAT	TAAAAAGCTC	GTAGTTGGAT	CTTGGGATCG	AGCTGGCGGT	CCGCCCGGAG
Mus_musculus_NR_046233	TCTGGTGCCA	GCAGCCCGCG	TAATTCAGC	TCCAATAGCG	TATATTAAG	TTGCTGCAAT	TAAAAAGCTC	GTAGTTGGAT	CTTGGGATCG	AGCTGGCGGT	CCGCCCGGAG
Homo_sapiens_U13369	TCTGGTGCCA	GCAGCCCGCG	TAATTCAGC	TCCAATAGCG	TATATTAAG	TTGCTGCAAT	TAAAAAGCTC	GTAGTTGGAT	CTTGGGATCG	AGCTGGCGGT	CCGCCCGGAG
Rattus_norvegicus_NR_046239	TCTGGTGCCA	GCAGCCCGCG	TAATTCAGC	TCCAATAGCG	TATATTAAG	TTGCTGCAAT	TAAAAAGCTC	GTAGTTGGAT	CTTGGGATCG	AGCTGGCGGT	CCGCCCGGAG
Gallus_gallus_KT445934.2	TCTGGTGCCA	GCAGCCCGCG	TAATTCAGC	TCCAATAGCG	TATATTAAG	TTGCTGCAAT	TAAAAAGCTC	GTAGTTGGAT	CTTGGGATCG	AGCTGGCGGT	CCGCCCGGAG
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GCGAGC-TAC	CGCT--GTC	CCAGCCCTG	CCTCTCGGC	CCTCCCTGAT	GCTCTTAAT	GAGTGTCCC	-GGGGCCCGA	AGCGTTTACT	TTGAAAAAAT	TAGAGTGTTC
Xenopus_laevis_X02995	GCGGCT--AC	CGCT--GTC	CCAGCCCTG	CCTCTCGGC	CCTCCCTGAT	GCTCTTACT	GAGTGTCCC	-GGGGCCCGA	AGCGTTTACT	TTGAAAAAAT	TAGAGTGTTC
Mus_musculus_NR_046233	GCGAGT-CAC	CGCC-GTCC	CCGCCCTTG	CCTCTCGGC	CCCCCTCGAT	GCTCTTAGCT	GAGTGTCCC	CGGGGCCCGA	AGCGTTTACT	TTGAAAAAAT	TAGAGTGTTC
Homo_sapiens_U13369	GCGAGC-CAC	CGCC-GTCC	CCGCCCTTG	CCTCTCGGC	CCCCCTCGAT	GCTCTTAGCT	GAGTGTCCC	CGGGGCCCGA	AGCGTTTACT	TTGAAAAAAT	TAGAGTGTTC
Rattus_norvegicus_NR_046239	GCGAGCTCAC	CGCCGTTC	CCAGCCCTG	CCTCTCGGC	CCCCCTCGAT	GCTCTTAGCT	GAGTGTCCC	CGGGGCCCGA	AGCGTTTACT	TTGAAAAAAT	TAGAGTGTTC
Gallus_gallus_KT445934.2	GCGAGC-TAC	CGCT--GTC	CCAGCCCTG	TCTCTCGGC	CCCCCTCGAT	GCTCTTAAT	GAGTGTCCC	CGGGGCCCGA	AGCGTTTACT	TTGAAAAAAT	TAGAGTGTTC

Crocodylus_porosus_EU727191	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	
Xenopus_laevis_X02995	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888889	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	
Mus_musculus_NR_046233	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	
Homo_sapiens_U13369	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	
Rattus_norvegicus_NR_046239	AAAGCAGGCC	--GGTCGCGC	GAATACTCCA	GCTAGGAATA	ATGGAATAGG	ACTCCCGTTC	TATTTTGTGG	GTTTTCGGAA	CTGGGCCCAT	GATTAAGAGG	GACGGCCGGG	CAAGCAGGCC	-GCGTCGCT	GGATACTCCA	GCTAGGAATA	ATGGAATAGG	ACTCCCGTTC	TATTTTGTGG	GTTTTCGGAA	CTGGGCCCAT
Gallus_gallus_KT445934.2	AAAGCAGGCC	CGAGCCGCT	GGATACTCCA	GCTAGGAATA	ATGGAATAGG	ACC CGCGTTC	TATTTTGTGG	GTTTTCGGAA	CTGAGCCAT	GATTAAGAGG	GACGGCCGGG	AAAGCAGGCC	CGAGCCGCT	GGATACTCCA	GCTAGGAATA	ATGGAATAGG	ACC CGCGTTC	TATTTTGTGG	GTTTTCGGAA	CTGAGCCAT

Crocodylus_porosus_EU727191	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	
Xenopus_laevis_X02995	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	
Mus_musculus_NR_046233	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	
Homo_sapiens_U13369	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	
Rattus_norvegicus_NR_046239	GGCATTTCGTA	TTGTGCCGCT	AGAGGTGAAA	TTCTTGACC	GGCGCAAGAC	GGACCAAAGC	GAAAGCATTT	GCCAAGAATG	TTTTCATTA	TCAAGAACGA	AAGTCGGAGG	GGCATTTCGTA	TTGTGCCGCT	AGAGGTGAAA	TTCTTGACC	GGCGCAAGAC	GGACCAAAGC	GAAAGCATTT	GCCAAGAATG	TTTTCATTA
Gallus_gallus_KT445934.2	GGCATTTCGTA	TTGTGCCGCT	AGAGGTGAAA	TTCTTGACC	GGCGCAAGAC	GGACCAAAGC	GAAAGCATTT	GCCAAGAATG	TTTTCATTA	TCAAGAACGA	AAGTCGGAGG	GGCATTTCGTA	TTGTGCCGCT	AGAGGTGAAA	TTCTTGACC	GGCGCAAGAC	GGACCAAAGC	GAAAGCATTT	GCCAAGAATG	TTTTCATTA

Crocodylus_porosus_EU727191	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	
Xenopus_laevis_X02995	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000001	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	
Mus_musculus_NR_046233	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	
Homo_sapiens_U13369	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	
Rattus_norvegicus_NR_046239	TTCGAAGACG	ATCAGATACC	GTCGTAGTTC	CGACCATAAA	CGATGCCGAC	TAGCGATCCG	GCGGCCTTAT	TCCCATGACC	CGCCGGGCAG	CTTCCGGGAA	ACCAAAGTCT	TTCGAAGACG	ATCAGATACC	GTCGTAGTTC	CGACCATAAA	CGATGCCGAC	TAGCGATCCG	GCGGCCTTAT	TCCCATGACC	CGCCGGGCAG
Gallus_gallus_KT445934.2	TTCGAAGACG	ATCAGATACC	GTCGTAGTTC	CGACCATAAA	CGATGCCGAC	TAGCGATCCG	GCGGCCTTAT	TCCCATGACC	CGCCGGGCAG	CTTCCGGGAA	ACCAAAGTCT	TTCGAAGACG	ATCAGATACC	GTCGTAGTTC	CGACCATAAA	CGATGCCGAC	TAGCGATCCG	GCGGCCTTAT	TCCCATGACC	CGCCGGGCAG

Crocodylus_porosus_EU727191	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	
Xenopus_laevis_X02995	1111111111	1111111111	1111111112	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	
Mus_musculus_NR_046233	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	
Homo_sapiens_U13369	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	
Rattus_norvegicus_NR_046239	CTGGGTTCCG	GGGGGAGTAT	GGTTGCAAAG	CTGAAACTTA	AAGGAATTGA	CGGAAGGGCA	CCACCAGGAG	TGGATCCTGC	GGCTTAATTT	GACTCAACAT	GGGATACTC	CTGGGTTCCG	GGGGGAGTAT	GGTTGCAAAG	CTGAAACTTA	AAGGAATTGA	CGGAAGGGCA	CCACCAGGAG	TGGATCCTGC	GGCTTAATTT
Gallus_gallus_KT445934.2	CTGGGTTCCG	GGGGGAGTAT	GGTTGCAAAG	CTGAAACTTA	AAGGAATTGA	CGGAAGGGCA	CCACCAGGAG	TGGATCCTGC	GGCTTAATTT	GACTCAACAT	GGGATACTC	CTGGGTTCCG	GGGGGAGTAT	GGTTGCAAAG	CTGAAACTTA	AAGGAATTGA	CGGAAGGGCA	CCACCAGGAG	TGGATCCTGC	GGCTTAATTT

Crocodylus_porosus_EU727191	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	
Xenopus_laevis_X02995	2222222222	2222222223	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	
Mus_musculus_NR_046233	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	
Homo_sapiens_U13369	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	
Rattus_norvegicus_NR_046239	ACCTGACCCG	GCCATGGAAA	GGATTG---	-----	-----	-----	-----	---GGGTG	GTGGTGCATG	GCCGTCTTA	GTTGGTGGAG	TGATTTGTCT	GGTTAATTT	GACTCAACAT	GGGAAACCTC	ACCCGACCCG	GACACGGAAA	GGATTGACAG	ATTGATAGCT	CTTCTCGAT
Gallus_gallus_KT445934.2	ACCCGACCCG	GACACGGACA	GGATTGACAG	ATTGATAGCT	CTTCTCGAT	TCCGTGGGTG	GTGGTGCATG	GCCGTCTTA	GTTGGTGGAG	CGATTTGTCT	GGTTAATTT	GACTCAACAT	GGGAAACCTC	ACCCGACCCG	GACACGGACA	GGATTGACAG	ATTGATAGCT	CTTCTCGAT	TCCGTGGGTG	GTGGTGCATG

Gallus_gallus_KT445934.2 CTAGAGGAAG TAAAAGTCGT AACAAAGTTT CCGTAGGTGA ACCTGCGGAA GGATCATTA- --CCGGGGCC GAGGCCGGC GTCCGGCCGA GCCGTGGCAC GAGCGCGGC
555555555 555555555 555555555 555555555 555555555 555555555 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666
999999999 999999999 999999999 999999999 999999999 999999999 000000000 000000000 000000000 000000000 000000000
444444444 555555555 666666666 777777777 888888888 999999999 000000001 111111112 222222223 333333334 444444445
123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789
Crocodylus_porosus_EU727191 CCATGCTCCC CCATCCCAT CTCTGGCAGC CTTGTGTGCA TGCATGCCCC GTGTGTCTGG GCTTCCAGGA CCTCATGCAG ACCAGTCTGT GGCTGCACAG CTCAGAGTGC
Xenopus_laevis_X02995 CCCGCGGAGA GAGAGAGAGA CGCCCCCCCC GGAGCGGAGA CCGCCCCCCC CCACACGGGG GGGGGCGGCC GCCCCGAAA GGACGACGAG GAACCCCCAG ACGGCCCCGG
Mus_musculus_NR_046233 T-TGTGTGT C---CTCGC GGGAGGCGGC T-----GCG -----GCG TCCCGGGTCC CGTTCGCC- -CGCGTGTG AGCGAGGTGT CTGGAGTGTG GTGAGAGAAG
Homo_sapiens_U13369 CTTCCCTCCG CACACCCACC CCCCACCCG GACGCGGCGC GTGCGCGGGC GTGGCCCGTG TTCGCTCCGT CCGTCCGTTCG CCGCCCGGCC CCGCCCGCCG
Rattus_norvegicus_NR_046239 GAGTGTTCCT CCTTCTCGCC GGGAGGCGCG TCCCCGGGTG GGTCCCGTGT TCCGCGTCC TGGCGTCTGT GCGCGTGCAG TGGCCGGCCC GCGGAGGGGG TTTCGGGACA
Gallus_gallus_KT445934.2 GGGCGCGCAG CCTTCCCTTC CCTTCCCGCA GCCCGTCCG CGCGGAGCGC GGTTCCTCTC CCCCCTCTCA AACGGGAAA GAAAAAAA ACACCGCAAG TCCTCCCGC
666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666
000000000 000000000 000000000 000000000 000000001 111111111 111111111 111111111 111111111 111111111 111111111
555555555 666666666 777777777 888888888 999999999 000000001 111111112 222222223 333333334 444444445 555555556
123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789
Crocodylus_porosus_EU727191 AGGACAGGTC CCCAGCCGT GGGGGGCCA GGTCTGAGT GGCTCCCTG 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789
Xenopus_laevis_X02995 CGAGGGGGCG GCGGCGGCC CGGGTCCACC CCGGGCCCG CCGCCCGCCT CCCCAGCGCG GCGCCGCCC GGTACTAGC CGGGCGGGG GCGCGGGGCG TGCGCGGGG
Mus_musculus_NR_046233 GG-----GT GGGTGGG-GT CGGTCTGGGT CCGTC-TGG ACCGCTCCG ATTTCCTCC CCTTCCCTC CTCCCTCGTC CGGTCTGTAG CTCGCCACC TACCGCGG-
Homo_sapiens_U13369 GAGAGCCGAG AACTCGGGAG GGAGACGGGG GGGAGAGAGA GAGAGAGAGA GAGAGAGAGA GAGAGAGAGA GAGAAAGAAG GCGGTGTCTG TGGTGTGGCG GTGTCTGGG
Rattus_norvegicus_NR_046239 GGTGTGCGGT GGCAGGGTGT CGGGTCTGGT CCGCGCGGCG ACCTCTCCG TTTTCTCGT CTTCCAGTGA CGCTCCCGTG CG--CCCGC TCCCGCTCC -GCCCGCCG
Gallus_gallus_KT445934.2 CGCCTGCCGT CGAGAGAGAA GGGAGACGAG GCGCGGAGC GCAGCTCCCG GGGGGGAGG CGGTGTGGG GCGCGCTCC GCGCGCTCTC TCCCCCGG
666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666
111111111 111111111 111111111 111111111 222222222 222222222 222222222 222222222 222222222 222222222 222222222
666666666 777777777 888888888 999999999 000000001 111111112 222222223 333333334 444444445 555555556 666666667
123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789
Crocodylus_porosus_EU727191 AGGACTGGGG TCCTTGAGG GGCTCCTGCC CAGTGCCAGG GATTTTCTT CAGCAGCAT GTTCCATTC TGGCCACCC ACCCCGCCC GTGGCAGTGC CCTTTCCAC
Xenopus_laevis_X02995 GCGGGGCGCG CCCAGGGCGC TCCGCGCTCC CCGCGTCCG CTCCCGCGC CCGCCCGGG CGGTTTGAAG ACCCCGCCC CCGGGCGGG GGAGGCCCG GAGGGAGCCG
Mus_musculus_NR_046233 GCGGGCTGCT CGCGGGTGT TCGCTCTTT CCGTCCGCG TC----TTC CGGTTTACG CGTCTTACG CGGTTTGTAC CCGTCCCGG CCGTCCCGGT
Homo_sapiens_U13369 GCCGCGGGG GCGGGGAGC GGTCCCGGG CCGGGCCCG ACGACGTGG TGTCGGCGGG CCGGGGGGG GTTCTCGGC GCGTCCGGC GGGTCTGGGG GGTCTCGGT
Rattus_norvegicus_NR_046239 GTCGGCAGC- -GAGGGCGT CTGCCCTTT CCGGCGGGG TCCGTGATC CGTGTGCACC GGGGGTGGTA CGTGATCTC- -TCCGGGG GTGGCCGGGA CCGCTCGCT
Gallus_gallus_KT445934.2 GCCGTCGGTC CGCACGCCG GGTCCCGTC CGTCCGGTGC CTTCCGCGG GCGCGCCC GCGCGCGGT CCGCGGGGC TCGCCGGGT CCGCGGCTC CGGAGCGTCC
666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666
222222222 222222222 222222223 333333333 333333333 333333333 333333333 333333333 333333333 333333333 333333333
777777777 888888888 999999999 000000001 111111112 222222223 333333334 444444445 555555556 666666667 777777778
123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789
Crocodylus_porosus_EU727191 TCTCACATCT GTGTGCCCC AGCCTCCCT TGGGCGCAT GCCCAGCAG GCTGGTCA GGTCTGCGC CCTTCCCTG TGTCCCAGG TTCCACCCT GCCTCTCA
Xenopus_laevis_X02995 GGGAGGGGAG GGGGGGAGG GCGGGCGAG CCGGCGGGG CGCGCCGGG GTCCCGTCC CCGCCGCCC CCGCGGCCG GGGGCGCCG GCGCGGAGC
Mus_musculus_NR_046233 CGTCGGGGCG CGCGCTTTG TCTCCCGGA CCCATCCCC CCGCGGCTCT GGCTTTTCTA CGTGGGTGG GCGGTTGTG CCGTGTGGG GGATGTG - -AGTGTGGG
Homo_sapiens_U13369 GCCCTCTCC CGCGGGGGC CCGTCTCCG GCCGCGGGC GCGCGCTCC CGTCTCGGG CCGGCGGGG TTCCTCTCG CCGCTCCGCG CCGCTCCGGA
Rattus_norvegicus_NR_046239 CTCCTCAGG CGCTGCCG TCTCCCGCG CCGCGGCTCT CCG--GACT GACGGTGC- -CGGTGGTCC GCGCGTGGC GTGGGGGGG GTGTGTGTG CCGTCCCGC
Gallus_gallus_KT445934.2 CCGGGCCGAG TCCCGTCCG ACCGCGGGT CGGGTCCGG AGGTGGCGG GGTGCGGAG GTGAAGGAC GGCTCCCGC TTCGTGCTC GGCCGAAAC TCGCACCCG
666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666 666666666
333333333 333333334 444444444 444444444 444444444 444444444 444444444 444444444 444444444 444444444 444444444
888888888 999999999 000000001 111111112 222222223 333333334 444444445 555555556 666666667 777777778 888888889
123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789 123456789
Crocodylus_porosus_EU727191 GCCCAGCTGA GTGGGGGAG GAAAGGACT CAGGGTTGG CCGGTTGTC GGTCTGTCAG CACCACATG GCGGGGCATC CGTGGTGGCT GGGATGGCTG GGATGGGATG
Xenopus_laevis_X02995 GCCTCAGCG CAGCAGCGG AGCCTTCCG AGACCGAAA GGA AAAACCG CACAGCGCTC GCAGCGCTC CG-----
Mus_musculus_NR_046233 TGTGGGCTCG CCGTCCCGA TGCCACGTT TTCTGGCCT CCGTGTCTC CCGCTCTCTG TCCCGGTC TTAGCTGTG CCGTCCCGG CCGAGGGTTA AGGACCCCG
Homo_sapiens_U13369 CGGCCCCGCT CGCTCTCCC GGCCTTCCC TAGGGCGTC TCGAGGGTGC GGGCCGAGC GCGGTCCCC TCCCGCCT CCTCGTCCG CCGCGGCCG TCCAGGTACC

Rattus_norvegicus_NR_046239	GGTGGGCTCG	CGCGCCCCG-	--CCGCGTCC	TTCTGGGCCCT	CCGTGTCCGC	CCCCTCCTG	TCC-GGGTAC	CT-GCTCTCG	CGTTCGGCGG	CGGAGGTTTC	GCGACCCCGG
Gallus_gallus_KT445934.2	CCCCGCCGC	TGTGCAGCCG	GGCACCCCGA	GTCCGCTCGG	AGGGAAGCCG	CGCGGGCGGC	CGCGCGCGGG	GGAGGCGGCG	GGCGGCGGGT	CCGAGCGCGG	GGCGGGGAA
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
	4444444444	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555556
	9999999999	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GGGAGGGCCC	GTCTGGCGGG	GCGGCCCCAG	CTGTGTCAGC	CCCCAGGGAA	ACAGCTAAGA	CCTGAGAGAA	ACCCAGCCCC	CCCAAATGGG	AAGGCGCTGG	CCATGGCAGT
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GGGGGTCCGC	CTGCCGCCCC	CAGGGTCGGG	GGG-CGGTGG	GGCCCGTAGG	GAAGTCGGTC	GTTCGGG---	-----	-----	-----CGGCT	CTCCCTCAGA
Homo_sapiens_U13369	TAGCGCGTTC	CGGCGCGGAG	GTTTAAAGAC	CCCTTGGGGG	GATCGCCCGT	CCGCCCGTGG	GTCGGGGGGC	GTGGTGGGCC	CGCGGGGGAG	TCCCGTCCGG	AGGGGCCCGG
Rattus_norvegicus_NR_046239	GGGGGTCCGC	CTACCGTCCC	CGGGGTCCGG	GGGGCGGTGG	GGCCCGTAGG	GACGTCGGTC	GTCCGCGGGA	GGGCTTCCCG	GTCCCTCCCC	GCGTCCGCGC	CTCCCTCAGA
Gallus_gallus_KT445934.2	GTCGGCCGCT	TCCCCGGCC	TCACCCCCA	CCCCCTTCGC	CCGGCCCGTC	GCGGGGACGG	GGCCGGGTCC	CGGGCGGTGG	CGGAGCCGGC	CGACTCCGGG	CGAGCGCCGG
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666667
	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GAGTCCTGGG	CGCTGCCCTC	CGGGTGGATG	CTTCTCCCGG	CCTATGGGTT	CACAGAGCTG	GCTGGAGGAT	GCCAGGCTCA	ACTCCACGTC	CCCTCCAGT	GTCTGTCCCT
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	CTCCATGACC	CTCCTCCCCC	CGTGCCGCC	G-TTCCCCGAG	GCGGCGGTTCG	TGTGGGGGGG	TGGATGTCTG	GAGCCCCCTC	-GGGCGCCGT	GGGGG--CCC	GACCCGCGCC
Homo_sapiens_U13369	CCCCTCCCGC	GCCTCCACCG	GCGACTCCGC	TCCCCGGCCG	GGGCCGCGCC	GCCGCGCGCC	CGCGCGGGCC	CGTCGGGTGG	GGGCTTTACC	CGGCGCCCGT	GCCGCGCCTG
Rattus_norvegicus_NR_046239	CTCAGCGGCG	CACC--CCTC	TGCCGCGGCG	GCTTCCCGAG	GCGGCGGTT-	--CGGGGGG	CG--TGTCGC	GAGCCCCCTC	TGGGCGCCCG	AGGGGTTCC	GGCCCGCAGC
Gallus_gallus_KT445934.2	AGGGACGCGC	GCGCCGCGTA	GCGCGGCGAG	GCGCGAGGTG	CCCCGGGCGG	CTTCGGTCCC	GCGCGGGCGG	TCCGAGCCTC	GCGGCTCCTC	CCGGGTGCAG	CTGCCGCCCG
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777778	8888888888	8888888888
	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	TGCTGTCCCA	TCTGCGGAGG	CGAGGCATTG	TCCGGAAGGT	GGGGGTTGGG	ACCACCTGGA	GTTCAGAACC	ATTTCCCTCA	CCCAAGCTAC	CAGGTACCTA	GTGCTCCACC
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GCCGGCTTGC	CCGATT--TC	GCGGGTTCGG	TCCTGTCCGT	GCCGG--TCG	TGGGTTCCCG	TGTCGT---T	CCCCTGTTTT	TCCGCTCCCG	ACCCT--TTT	TTTTTCTCCTC
Homo_sapiens_U13369	CCGCGCGTGT	GGCGTGCGCC	CCGCGCCGTG	GGGGCGGGAA	CCCCCGGGCG	CCTGTGGGGT	GGTGTCCGCG	CTCGCCCCCG	CGTGGGCGGC	GCGGCCTCC	CCGTGGTGTG
Rattus_norvegicus_NR_046239	CCTGGCTTGT	CCCGCCCGTT	GGCGGGCCGC	CGCCG--GGT	GCCGGGTTTCG	TGGCGTCCCG	TGTCCCGTGT	GTCCCGCCTT	TCCGTCTCCG	ACCCTGTCTT	TTTTTTTTTTA
Gallus_gallus_KT445934.2	GCGCCGGGTT	GCCGAGGGAA	ACCCTGGGCC	CCGGGAGGAA	CGCGAGGTGG	TGGCGGCGGA	CGTCGGGCGC	GCCCCGCGG	GCGGACGCTC	CCCCGAGGGG	GCGCGGGGCC
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888889	9999999999	9999999999
	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	CCTCAACTCG	CCCTGTCCCA	CGGGGCAGGC	AGCGGGGTGG	GTGGCGAAG	GTTCAAAGAT	TTGTGCTGCC	TGAGGGGTCT	GCGCGGGCAG	CCACAGGAGG	TCTGCCGAGG
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	CCCCACACG	TGTCTCGTTT	CGTTCC-TGC	TGGCCGGCCT	GAGGCTA---	CCCCTCG--G	TCCATCTG--	TCTCTCTCTC	TCTCCGGGGA	GAGGAGGGCG	GTGGTCTGTTG
Homo_sapiens_U13369	AAACCTTCCG	ACCCCTCTCC	GGAGTCCGGT	CCCGTTTGCT	GTCTGCTCTG	GCCGCGCTGA	GGCAACCCCG	TCTCTCTTTG	GGCGGGGGGG	GCGGGGGGAC	GTGCCCGGCC
Rattus_norvegicus_NR_046239	TTTTCTTACG	TGTGCCGTTT	CGTTTCGCGC	TGGCCGGCCT	GAGGCGGAGC	CCCCTCGCCG	TCCGTCCGGC	CCCTCCATC	CCGCGCAGGA	GGGGCGGGCG	GGGGCGCTTG
Gallus_gallus_KT445934.2	GGCTGGCGGG	TGCCGGTCT	CCCCTCGGCG	CCCCGTCCCG	CCCCGCGGAG	CGGGGCGGGC	GGGGGAGGCA	CCCCCGCGGG	GCCTTCGGGT	CGTTTCCTCT	ACCCAGGGC
	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666667	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	0000000000	0000000000	0000000000
	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GAGGGTGGGC	ATGTGCAGAT	GTGCCTGTGC	CTTTGACACT	CCCTGCCCAT	GTGGCTCCTG	GAATGGAGAG	GGGTCACCCCT	GCCTCCCTCT	CTGCAGAGGG	GCCTGAAAGC
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GGGACTGTG	CCGTCGTGAG	CACCCGTGAG	TTCGTCACA	CCCGAAATAC	CGATA-----	-----	-----	-----	-----	-----

Homo_sapiens_U13369	AGGAAGGGCC	TCCTCCCGGT	GCGTCGTCGG	GAGCGCCCTC	GCCAAATCGA	CCTCGTA---	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	TTGCGGTCGT	CAGCACCCCG	TGTGCGGAGT	TCCGCTCACA	CCTCAGATAA	CCGTA-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CAGGTACCTA	GCGTCCGCGC	CTCCGCGCGT	CCGGGGGGCG	GGGAGGAAGG	AGCGCGGCGC	CGGTCCCAG	CGGGCCCGCT	CGCCACACC	CCCCTCCTCC	CCCCGGGCCG	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000001	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	4444444444	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	TGATTGCTTG	TGGGCTGTGG	CTCCCTTGCC	AATGTCATCC	ACCCTGCCTA	TCGCCATCAC	CCCCACTGCA	CCCCTGGGTG	GGGCAAGGGC	TGGTCAAGGG	GAGCGGAAGG	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CGGAGCCGGG	CGGAGGTTTA	AAGACTCGGG	CGGCCCGCGG	CGCGCGCCGC	GAGGTCGGGG	GCCGGGGCGG	GTCTTCTGCC	CGCCGGCGGG	ACGCCGGGAT	GGAAGAGAGG	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111112	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GGTGCATGGT	CCCAGGTGCA	GCGCAGGAG	CGCTGCGGAG	CTGTGGAGC	CTGTGGCAGC	GCTGGCCGTG	CCCCCTAAG	CTGAGCACCT	GGACTGAGCC	TGCAGCGGGG	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	ACTCCGGGCG	GGGCGCGGCG	GCGCGCCCCG	CCGGCCCTCT	CCCTCCCGAG	CCCGCCGGCG	GCGTCGGCCG	TCGCCCGGCC	CTCGGTCTCT	CGCGGGGCGG	GCCCGGGCCG	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	2222222222	2222222222	2222222222	2222222223	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GGCTCACCTT	TGTGGCCATG	GCCCTCTCTC	AGGTTGTTAA	ACCTCTCTCC	TGTGTTTGCC	TGGTCTGTAG	GACTCCTGCC	AAGGGAAGGC	AGACAACCGG	CTGGGCAGGA	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GAGAGGGGGT	CATCCCCTCC	CCCCTCTCCG	CGGCCTCGGT	CTCGGGCGGA	GAGCTCGGCG	CGCGCGCGGG	CGCGGCTCG	CTCCGGCCGG	CCTCGCCCCG	GTACGGAGCG	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	3333333333	3333333333	3333333334	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	ATACCTCCCC	TCCCATGACC	CCTGCCAGGT	TGCTGCAGCA	GGGAGGAAG	GTCAGCTCAG	GGACCCTGTC	CTGACCTCGT	GCAGACCCAG	AAGCCCACCC	TCCCTCTGGC	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GGCCGAGACG	CGGGTCTCGG	CCCGGCGCCC	GCCGCTCCCC	GCGGCGGTGC	GTTCCGCGGC	CTCCCCGCCG	CGCGCGGCCG	GCGGGACGGC	GAGCCGGCCG	TCCCGCCCCG	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	4444444444	4444444445	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555
	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	TTGGCTTCTG	CCATGCGGCG	AGGTGGCAAC	CGTGGAGAAA	AGCCTGTGCA	AAAAAAGTGA	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GCCAGCCGCG	GCGCCGGCGG	TTCCGCTCCG	CCGGTCCGCC	CCGCGTGCGT	CCGCACGCC	GGCCTCCTGC	CCTCCCTCGG	GGCCTCGCCG	CCGTTTCCCC	CTTCCGTGCG	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	5555555556	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666667
	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	-----	-----
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	AAGCCGCGTC	CTCTCCTTCG	TCCC GCCCGC	CGTCGCCTCC	CACCGCGCTT	TCGCCCTCGG	CCTCGCCGGC	CGCGCCGGTC	GTGCGAGCGG	GAGGTCCGGC	GTGGGGCGTC	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777778	8888888888	-----	-----
	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	-----	-----
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CCGCAGCCGG	TCTCCGCGCG	GAGGCGCGGG	GAGCGGGCGC	CGCTCCCGAA	TCCGTCCCGG	TCCC GCCCGC	CGCCGTGCGC	GCGTCCGCGG	CGGGCGCGCC	GCCAGGGCGA	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888889	9999999999	9999999999	9999999999
	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	-----	-----
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GCGAGAGGAG	GAGGCGTCCG	AGGACGAGGG	GCGGGGGAGG	AAGGTGAGAG	GCGGCGGGGG	CGTTTCGGTG	CGCGCTCTC	CCGCACGGCG	AGGAAGGGGC	CGAGGTGCGC	-----	-----
	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777778	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	-----	-----
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GCGGGCGCCG	TCGGGCGGTC	CGGGCGGGGC	GCGGGCCGGC	GGGCGCCGGC	GCGGCGGGCG	GGGCCTGGTC	TGCTCCCGTC	CCCGTCGGTC	GCGGCGGGCG	CGGGCGGGGC	-----	-----

	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GGTCCGTCGC	GGCAGCGGGG	CTTCGCGCCG	GGCGGCGCGC	GCCGTCCCGC	GGGCGTCCGC	GGCTCCTCCG	CCCGGGCCCG	GCCGAGCCCG	GCGCCTGGTC	CGTCCCGGAA	
	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111112	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GCGAGACAGG	GTCGTTTCCC	CAGGTCGGGA	GCGAGGGCTC	CCCGCCCTTC	TCGTTCGGGT	CGCGCTTCAT	TGCCGGCCCG	CCGGCCGGCC	GTCGCCGGCT	TTTTTTTTTC	
	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222223	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CTCCGCATC	CGATATTCTG	GTGCTCGTAC	GGTCAGCGGA	GGCGACGCTC	GTCCGCCCCG	CGGTCGCCCC	GCGTCGGGG	CTGGCCGCGG	GCGCGGGCCG	AGCGCCTTCG	
	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333334	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GGCAAGCGA	GAGAGAACGA	GAGCGGTCCC	CCCGCGCGCG	CGGGCGGGTG	CCGAAAGTCA	GA---CAACT	CTTAGCGGTG	GATCACTCGG	CTCGTGCCTG	GATGAAGAAC	
	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
	4444444444	4444444444	4444444445	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555
	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	CCAGCTATCT	GCAAGAATTA	ATGTGATTTG	CAGGACACAC	TGATCATTGA	CACCTCGAAC	GCAC--TTGCG	GCCCTGGGTT	CCTCCTGGGG	CTATGCCGGT	CTGAGCATCG	
Xenopus_laevis_X02995	GCAGCTAGCT	GCGAGAATTA	GTGTGAATTG	CAGGACACAT	TGATCATCGA	CACCTCGAAC	GCACCTTGCG	GCCCCGGGTT	CCTCCCGGGG	CCACGCCTGT	CTGAGGGTTC	
Mus_musculus_NR_046233	GCAGCTAGCT	GCGAGAATTA	ATGTGAATTG	CAGGACACAT	TGATCATCGA	CACCTCGAAC	GCAC--TTGCG	GCCCCGGGTT	CCTCCCGGGG	CTACGCCTGT	CTGAGCGTCG	
Homo_sapiens_U13369	GCAGCTAGCT	GCGAGAATTA	ATGTGAATTG	CAGGACACAT	TGATCATCGA	CACCTCGAAC	GCAC--TTGCG	GCCCCGGGTT	CCTCCCGGGG	CTACGCCTGT	CTGAGCGTCG	
Rattus_norvegicus_NR_046239	GCAGCTAGCT	GCGAGAATTA	ATGTGAATTG	CAGGACACAT	TGATCATCGA	CACCTCGAAC	GCAC--TTGCG	GCCCCGGGTT	CCTCCCGGGG	CTACGCCTGT	CTGAGCGTCG	
Gallus_gallus_KT445934.2	GCAGCTAGCT	GCGAGAATTA	ATGTGAATTG	CAGGACACAT	TGATCATCGA	CACCTCGAAC	GCAC--TTGCG	GCCCCGGGTT	CCTCCCGGGG	CTACGCCTGT	CTGAGCGTCG	

Gallus_gallus_KT445934.2	GGCGGCGGTA	ACGCGCCGTG	CTGCCGCGCG	CGTGGCGGTC	CGGGTCGGGG	CGAGGCTGCC	GGCTCCGGT	CGTCCGCCCG	TCCGTCCGGC	CGAGCCCGGC	GCGCGTCCCC
	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999
	111111111	111111111	111111111	111111111	111111111	111111111	111111111	111111112	222222222	222222222	222222222
	333333333	444444444	555555555	666666666	777777777	888888888	999999999	000000001	111111112	222222222	333333333
	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789
Crocodylus_porosus_EU727191	CCCCTGTCT	CTGCTGCCTT	CCCTCTGCCG	GGCCCTCTCT	GCCCCACGCG	TTCCCGGCTT	TCACGCCAGG	GTGTGCCGTA	TGCGGCTGCT	CCTCCCTCAG	GGCTGTTCTC
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GTCGCCCGGC	GCCGCGCAC	C-TCCGGCTT	GTGTGGAGGG	AGAGCGAGGG	CGAGAACGGA	GAGAGGTGGT	ATCCCCGGTG	GCGTTGCGAG	GGAGGGTTTG	GCGTCCCAGG
Homo_sapiens_U13369	GCCGCCCGGC	CCCAGTGGCG	GCCCGCGGTC	CGCCCGACCG	CGCCCTCCCC	GCGCCCTCCA	TCCTCCCCGC	CGCCCTCCTT	CCGAGGCCCC	GCCCGTCTCT	CTCGCCCTCC
Rattus_norvegicus_NR_046239	TCCGCC-GCC	GCCGCGCGCC	CGCCCGGTGC	GTGCGGAGAG	AGAGAGAGAG	-----AGA	GAGA-----	---CCCGCGA	GGGTCGTTCC	GGGGGGC---	-CGTACCAGG
Gallus_gallus_KT445934.2	GCGGGTCCGT	CTCCGGCCAC	CGTGCGCCCG	CGGCGGCGCG	GGCGGTGCGA	ACCGCCGCGC	GCGCGCCGGC	TCCCCCGTCC	GGGCGTTCTT	CCCTCGGCAG	CGCCGGGAGC
	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999
	222222222	222222222	222222222	222222222	222222222	222222222	222222222	333333333	333333333	333333333	333333333
	444444444	555555555	666666666	777777777	888888888	999999999	000000001	111111112	222222222	333333334	444444444
	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789
Crocodylus_porosus_EU727191	CCCAGGTTCC	TTCCATCGGG	CCTCCTTTGG	AGACGGCGCA	GTCTCCTGTG	GCTGTGGTGG	GTAGGACTGC	ACATGTGCAC	AGCATGCTGA	GAGACCAGGC	CGGCCCTGTC
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	TCCGTCCGTC	CCTCCCTCCC	TCGGTGGGCG	CCTTCGCGCC	GCACGCGGCC	GCTAGGGGCG	GTGCGGGGCC	GTGGCCCCCG	TGGCTTCTCT	TCGTCTCCGC	TTCTCCTTCA
Homo_sapiens_U13369	CCGCGCGTAC	GCAGCGCGCC	CCGCCCGCCC	GGCTCGCCTC	GCGGCGCGTC	GGCCGGGGCC	GGGAGCCCGC	CCCAGCCGCC	GCCCGTGGCC	GCGGCGCCCG	GGTTCGCGTG
Rattus_norvegicus_NR_046239	CCCG-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	GT--CTCGCG	TCCCTCTCCT	CC---CCCGC	TCCCTCT--A
Gallus_gallus_KT445934.2	AGCCGCTTGG	CGTCCGAAGG	CGGGTGGCCG	GGCGAGCGCG	GGCTCGCCCC	GGGCCCGGCG	TTCGGGCCCC	GTTTCCGAT-	-----	-----	-----
	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999
	333333333	333333333	333333333	333333333	333333333	444444444	444444444	444444444	444444444	444444444	444444444
	555555555	666666666	777777777	888888888	999999999	000000001	111111112	222222222	333333334	444444444	555555555
	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789
Crocodylus_porosus_EU727191	CGGTACCAGG	TTTCTCGGCC	ATCCCGCCTC	TCAAACCTCT	CCCACACCTG	CACCCTCCCA	TCCAGC----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	CCCGGGCGGT	ACCCGCTCCG	GCGCCGGCCC	GCGGGACGCC	GCGGCGTCCG	TGCGCCGATG	CGAGTCAACC	CCGGGTGTTG	CGA--GTTCC	GGGAGGGAGA	GGCCCTCGCT
Homo_sapiens_U13369	TCCCGGCGGG	CGACCCGCGG	GACGCCGCGG	TGTCGTCCCG	CGTCGCGCGC	CCGCCTCCGG	CTCGCGGCCG	CGCCGCGCCG	CGCCGGGGCC	CCGTCCGAGG	CTTCCGCGTC
Rattus_norvegicus_NR_046239	CCGGGGCCGA	--CCGCTCCG	GCGCCGGCCC	GCGG--CGCC	GCGGCGTCCG	TGCGCCGACG	CGACTTGCCC	CCGGGATGTT	GGGCCGGGCC	GCGAAGGAGA	GG--TCGCG
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999
	444444444	444444444	444444444	444444444	555555555	555555555	555555555	555555555	555555555	555555555	555555555
	666666666	777777777	888888888	999999999	000000001	111111112	222222222	333333334	444444444	555555556	666666666
	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GACCCGTTGC	GTCCCGGCTT	CCCTGGGGGG	GACCCGGCGT	CTGTGGGCTG	TGCGTCCCGG	GGGTGCGGTG	TGAGTAAGAT	CCTCCACCCC	CGCCGCCCTC	CCCTCCCGCC
Homo_sapiens_U13369	GGGGCGGCGC	GGTCCGCGCC	CCGCGTCTCT	GGACCCGCTC	CCCCGACCTC	CGCGGGGGAG	ACGCGCCGGG	GCGTGGGCGG	CCCCTCCCGC	CCCCGGCCCG	TGCCCTCCCT
Rattus_norvegicus_NR_046239	GGCTC----	GGCCTGGCTC	CCC-----	----CGGCGC	CCTCGCCCCG	T-CGTCCCGT	CGTTCTCG--	-----	-----CTCT	CGCTCTCTCT	TCCTC-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999	999999999
	555555555	555555555	555555555	666666666	666666666	666666666	666666666	666666666	666666666	666666666	666666666
	777777777	888888888	999999999	000000001	111111112	222222222	333333334	444444444	555555555	666666666	777777777
	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789	123456789
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GGCCTCTCGG	GGACCCCTTG	AGACGGTTTC	CCGGCTCGTC	CTCCCGTGCC	GCCGGGTGCC	GTCTCTTTCC	CGCCCGCCTC	CTCGCTCTCT	TCTTCCCGCG	GCTGGGCGCG
Homo_sapiens_U13369	TCCGGTCTGC	CCGCTCCGGC	GGGGCGGCGC	GGGGCGCCCG	TCGGCCGCGC	GCTCTCTCTC	CCGTCTCTCT	TCCCCCTCGC	CGGGCCCGTC	TCCCGACGGA	GCTCGGGCGC

Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----TC	CTCTCCTTCC	GTCG-----	-----CC	CGCGCGCGCC	CAC-CTCTCC	TCCT-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999
	6666666666	6666666667	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----TG	CTCAGATTAG	ACTTGGTGAC	CTGCTGAATT	TAAGCATATT
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----TC	CAGATCAG	ACGCGGCGAC	CCGCTGAATT	TAAGCATATT
Mus_musculus_NR_046233	TGTCCCCCT	TTCTGAC---	-----	-----	-----	-----	-----CG	CAGATCAG	ACGTGGCGAC	CCGCTGAATT	TAAGCATATT
Homo_sapiens_U13369	GGCGGTCGGG	CCGGCGCGAT	TCCGTCGGTC	CGTCCGCCGA	GCGGCCCGTC	CCCCTCCGAG	A---CG	CAGATCAG	ACGTGGCGAC	CCGCTGAATT	TAAGCATATT
Rattus_norvegicus_NR_046239	--TCTCCTCC	TCTGGAC---	-----	-----	-----	-----	-----CG	CAGATCAG	ACGTGGCGAC	CCGCTGAATT	TAAGCATATT
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----CG	CAGATCAG	ACGTGGCGAC	CCGCTGAATT	TAAGCATATT
	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999
	7777777778	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	AGTCAGTGGA	GGAAAAGAAA	CTAACCAGGA	TTCCCTCAGT	AACGGTGAGT	GAACAGGGAA	GAGCCCAGCG	CCGAATCCCC	ATCCTGCAGT	AGTGTGTAGG	AAATGTGGTG
Xenopus_laevis_X02995	ACTAAGCGGA	GGAAAAGAAA	CTAACCAGGA	TTCCCTCAGT	AACGGCGAGT	GAACAGGGAA	GAGCCCAGCG	CCGAATCCCC	CGCCCGC---	CGGGCGCGGG	ACGTGTGGCG
Mus_musculus_NR_046233	AGTCAGCGGA	GGAAAAGAAA	CTAACCAGGA	TTCCCTCAGT	AACGGCGAGT	GAACAGGGAA	GAGCCCAGCG	CCGAATCCCC	GCCGCGCGTC	GCGGCGTGCC	AAATGTGGCG
Homo_sapiens_U13369	AGTCAGCGGA	GGAAAAGAAA	CTAACCAGGA	TTCCCTCAGT	AACGGCGAGT	GAACAGGGAA	GAGCCCAGCG	CCGAATCCCC	GCCCGC---	GGGGCGCGGG	ACATGTGGCG
Rattus_norvegicus_NR_046239	AGTCAGCGGA	GGAAAAGAAA	CTAACCAGGA	TTCCCTCAGT	AACGGCGAGT	GAACAGGGAA	GAGCCCAGCG	CCGAATCCCC	GCCGCGCGCC	GCGGCGCGGG	AAATGTGGCG
Gallus_gallus_KT445934.2	AGTCAGCGGA	GGAAAAGAAA	CTAACGAGGA	TTCCCTCAGT	AACGGCGAGT	GAACAGGGAA	GAGCCCAGCG	CCGAATCCCC	GCCCCGCGGT	GGGGCGCGGG	AGGTGTGGCG
	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	1 1111111111
	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	0000000000
	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GTGTACAGAA	GACCCA--CT	CCCCAGTGCC	GCTCTCGGGG	GCCCCAAGTC	CTTCTGATCA	AGGCACAGCC	CGTGGATGGT	GTGAGGGCAG	TAG-TGGCCC	CTGGTGCGCT
Xenopus_laevis_X02995	---TACGGGA	GACCGGACCC	CCCCGGCGCG	GCTCG--GG	GGCCCAAGTC	CTTCTGATCG	AGGCCAGCC	CGCGGACGGT	GTTAGGCCGG	TGGGCGGCC	CCGGCGCGCC
Mus_musculus_NR_046233	---TACGGAA	GACCCA--CT	CCCCGGCGCC	GCTCGTGGGG	GGCCCAAGTC	CTTCTGATCG	AGGCCAGCC	CGTGGACGGT	GTGAGGCCGG	TAG-CGGCCC	-CGGCGCGCC
Homo_sapiens_U13369	---TACGGAA	GACCCG--CT	CCCCGGCGCC	GCTCGTGGGG	GGCCCAAGTC	CTTCTGATCG	AGGCCAGCC	CGTGGACGGT	GTGAGGCCGG	TAG-CGGC--	-CGGCGCGC-
Rattus_norvegicus_NR_046239	---TACGGAA	GACCCA--CT	CCCCGGCGCC	GCTCGTGGGG	GGCCCAAGTC	CTTCTGATCG	AGGCCAGCC	CGTGGACGGT	GTGAGGCCGG	TAG-CGGCCC	-CGGCGCGCC
Gallus_gallus_KT445934.2	---TACGGAA	GCCCC--AT	CCCCGGCGCC	GCTCTCGGGG	GGCCCAAGTC	CTTCTGATCG	AGGCCAGCC	CGCGGACGGT	GTGAGGCCGG	TAGCGGCC	CCGGCGCGCC
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000001	1111111111	1111111111
	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GGGAGTGGGT	CTTCTCAGAG	TTGGGTTGCT	TGGCAATGCA	GCCCAAAGCA	GGTGGTAAAC	TC-ATCTAAG	GCTAAATACT	AGCACAAGGC	CAATAGTCAG	CAAGTACTGT
Xenopus_laevis_X02995	GGGACCCGGT	CTCCTCGGAG	TCGGGTTGTT	TGGGAATGCA	GCCCAAAGCG	GGTGGTAAAC	TCCATCTAAG	GCTAAATACT	GGCACGAGAC	CGATAGTCAG	CAAGTACCGT
Mus_musculus_NR_046233	GGGCTCGGGT	CTTCCCGGAG	TCGGGTTGCT	TGGGAATGCA	GCCCAAAGCG	GGTGGTAAAC	TCCATCTAAG	GCTAAATACT	GGCACGAGAC	CGATAGTCAG	CAAGTACCGT
Homo_sapiens_U13369	--GCCCGGGT	CTTCCCGGAG	TCGGGTTGCT	TGGGAATGCA	GCCCAAAGCG	GGTGGTAAAC	TCCATCTAAG	GCTAAATACT	GGCACGAGAC	CGATAGTCAG	CAAGTACCGT
Rattus_norvegicus_NR_046239	GGGCCCGGGT	CTTCCCGGAG	TCGGGTTGCT	TGGGAATGCA	GCCCAAAGCG	GGTGGTAAAC	TCCATCTAAG	GCTAAATACT	GGCACGAGAC	CGATAGTCAG	CAAGTACCGT
Gallus_gallus_KT445934.2	GGGCCCGGGG	CTTCTCGGAG	TCGGGTTGCT	TGGGAATGCA	GCCCAAAGCG	GGTGGTAAAC	TCCATCTAAG	GCTAAATACT	GGCACGAGAC	CGATAGTCAG	CAAGTACCGT

	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	CGTCCGTC	TCCGTCTC	TCCTCCCC	TCTCCGCC	CCGGCCCC	GTCCTCCCTC	GGGAGGGCGC	GCGGGTCGGG	GCGGCGGGCG	CGGCGGGCGT	GGCGGGCG	GGCGGGCG	GGCGGGCG	GGCGGGCG	GGCGGGCG
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	6666666666	6666666666	6666666666	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777	7777777777
	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	TGTGTCGC	AAGTGTACA	GTCCCA---	GGCAGCAGCT	CTGCTGCAT	CCCAGGGTCG	AGGGA---G	ATGACCGTCG	CCACGCCCTC	CCACGCCCTC	CCACGCCCTC	CCACGCCCTC	CCACGCCCTC
Xenopus_laevis_X02995	-----	AGGTG	GCCGGCC---	GCCCCCGCGC	GCG-GCTACA	GCCCCCCCC	AGCAGCAGCA	CTCGCCGTCG	CCCGGGGCCG	AGGGA---G	ACGCCGCCT	CCGCG--GTC	CCGCG--GTC	CCGCG--GTC	CCGCG--GTC
Mus_musculus_NR_046233	CTCAGGGCGC	GCCGAACC--	ACCTCACCCC	GAGTGTACA	GCCCTC--C	GGCCGC-GCT	TTCGCCGAAT	CCCGGGGCCG	AGGAAGCCAG	ATACCCGTCG	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC
Homo_sapiens_U13369	GGCGGGGGCG	GCGGGACCGA	AACCCCCCC	GAGTGTACA	GCCCC--CC	GGCAGCAGCA	CTCGCCGAAT	CCCGGGGCCG	AGGGAGC--G	AGACCCGTCG	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC
Rattus_norvegicus_NR_046239	ACCCGTGGCG	GCCGGACC--	ACCCGCCCCC	GAGTGTACA	GCCCC--C-	GGCAGCAGCA	CTCGCCGAAT	CCCGGGGCCG	AGGGAGCCG	ATACCCGTCG	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	G	GCGCCGCGCG	AGCGGCGCC	GGGTGTATA	GCC--GCCG	GGCCCGGATC	GTCGCCGAAT	CCCGGGGCCG	AGGAG---G	AGGACCCCGC	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC	CCGCGCTC
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	7777777777	7777777778	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889	8888888889
	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	CCCCATGGCT	C---CCCGTC	CCTC-----	CTCCTCATGG	TGG-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	CTCCTCCCCG	GAGCGCGTCC	CGCCGCTC--	CCCCCGGGG	GGGCG----	-----GCGC	GCGGGCGGG	GAA-----	--GGGGAAG	GGGCCCCC	CTCCCGCGC	CTCCCGCGC	CTCCCGCGC	CTCCCGCGC	CTCCCGCGC
Mus_musculus_NR_046233	CCTCTCCCC-	----CCGTCC	GCCT-----	---CCCGGGC	GGG-----	-----	---CGTGGG	GT-----	--GGGGCCG	GGCCGCCCT	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC
Homo_sapiens_U13369	CCCCCTCCCG	GCGCCACCC	CCGCGGGAA	TCCCCCGCA	GGGGGGTCT	CCCCCGGGG	GCGCGCGCG	GTCTCCTCGT	GGGGGGCCG	GGCCACCCCT	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC
Rattus_norvegicus_NR_046239	CCCCGGGCT	CTCCCCCTCC	GCCC-----	CTCCCCGTGG	GGTGG----	---CGAAAG	GGGGCGGGT	GC-----	--GGGGCCG	GGCCGCCCT	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC	CCACGGCGC
Gallus_gallus_KT445934.2	CCCCGGAGGG	GGCGGCCCC	CGGAGGGCCC	CCC CGGGCCG	GACCGCGTC	GGCCCGGGC	CGCCGCGCG	GCGTCCGCGC	CGCCGCCGTA	CGCCGCCGCT	CGTCTCTCT	CGTCTCTCT	CGTCTCTCT	CGTCTCTCT	CGTCTCTCT
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
	8888888889	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999
	9999999999	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	AACTGTCAAT	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	GGCTGTCAAC	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GACCGCTCTC	CCACCC---	-----CC	TCCGTGCTC	CTCTCGGGC	CCGG-----	-----T---	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	GACCGCTCTC	CCACCCCTCC	TCCCCGCGCC	CCCGCCCGG	CGACGGGGG	GGTGCCTCGC	GCGGGTC---	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	GACCGCTCTC	CCACCCCGG	TC-----GCC	TCCGTGCTC	CTCTCGGGG	TCCG-----	GGGGCC---	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CCGTTCCCCG	CCCCGG-GTC	CGTCCCGGG	CGCGGGGGC	GGGGGGTCT	--GGGTGTC	GGCGCGGGC	TGCGCGGGC	GCCGCGGTG	TGGCGCGGC	CTCCAGCCG	CTCCAGCCG	CTCCAGCCG	CTCCAGCCG	CTCCAGCCG

1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000001 1111111111
 0000000001 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001
 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
 Crocodylus_porosus_EU727191
 Xenopus_laevis_X02995
 Mus_musculus_NR_046233
 Homo_sapiens_U13369
 Rattus_norvegicus_NR_046239
 Gallus_gallus_KT445934.2
 GCGCGGCGA GGCCGCGGG GGCCCGGGG GGGAACCTTC CCCCTTCTGT TCGGGCCGCC TCCGTTCCCG CGGGGGCGGC CCGTTCCGGG GACGGGCCCG CCGGCCCCCG

 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111112 2222222222 2222222222
 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112
 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
 Crocodylus_porosus_EU727191
 Xenopus_laevis_X02995
 Mus_musculus_NR_046233
 Homo_sapiens_U13369
 Rattus_norvegicus_NR_046239
 Gallus_gallus_KT445934.2
 -----CAGGG CGGACTGTTTTC TCAGTATGCT CCGACCGT-G TCGTGCTGCT GGCAGGGAG GG----- --CC-----
 -----CGGGG CGGACTGCC CAGTGCGCC CCGTCCGC-G CCGCGCCGCC GAGGCGGGAG GG----- --CC-----
 -----G GGGGCGGGG CGGACTGTCC CAGTGCGCC CCGGGCGTCC TCGCGCCGTC GGTCCCGGG GGG----- --ACCGTC GGTCACGCGT CTC-----
 -----G GGGGCGGGG CGGACTGTCC CAGTGCGCC CCGGGCGG-G TCGCGCCGTC GGGCCCGGG GAG--GTTCT CT-CGGGGCC ACGCGCGCGT CCCCCGAAGA
 -----G GGGGCGGGG CGGACTGTCC CAGTGCGCC CCGGGCGTCC TCGCGCCGTC GGGCCCGGG GGGCCCGTCT CA-CGCGCT FCCCTCCCT TCTC-GGGGT
 GCGCCGCTGT CCGACCGGGG CGGACTGCC CAGTGCGCC CCGACCGT-G CCGCGCCGCC GGGCCCGG-- --CC-----

 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 3333333333 3333333333 3333333333
 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112 2222222223
 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
 Crocodylus_porosus_EU727191
 Xenopus_laevis_X02995
 Mus_musculus_NR_046233
 Homo_sapiens_U13369
 Rattus_norvegicus_NR_046239
 Gallus_gallus_KT445934.2
 -ATGCTGGGC ACCTGGGGTC TGCAGCGATG TTGGCTGCC ACCCAACCCG TCTTGAAACA CGGACCAAGG AGTCTAACAT GTGTCAAGT CAG-AGGCTC
 -----GAGC CGCCAGGGTC CGCGGCGATG TCGGTGTCCC ACCCGACCCG TCTTGAAACA CGGACCAAGG AGTCTAACGC GCGCGCGAGT CGGAGGGACT
 -----CGAC GAAGCCGAGC GCACGGGGTC GCGCGCGATG TCGGTACCC ACCCGACCCG TCTTGAAACA CGGACCAAGG AGTCTAACGC GTGCAGGAGT CAG-GGGCTC
 GGGGGACGCG GGAGC-GAGC GCACGGGGTC GCGCGCGAGC TCGGTACCC ACCCGACCCG TCTTGAAACA CGGACCAAGG AGTCTAACAC GTGCAGGAGT CCG-GGGCTC
 GGGGGGAGC GAAGCCGAGC GCACGGGGTC GCGCGCGATG TCGGTACCC ACCCGACCCG TCTTGAAACA CGGACCAAGG AGTCTAACGC GTGCAGGAGT CAG-GGGCTC
 --CTCGGCC ACGCCAGGGC GCCCGGGTC CCGCGCGAGC TCGGTACCC ACCCGACCCG TCTTGAAACA CGGACCAAGG AGTCTAGCAC GCGCGCGAGT CCG-GGGCTC

 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
 3333333333 3333333333 3333333333 3333333333 3333333333 3333333333 3333333334 4444444444 4444444444 4444444444 4444444444
 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112 2222222223 3333333334
 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
 Crocodylus_porosus_EU727191
 Xenopus_laevis_X02995
 Mus_musculus_NR_046233
 Homo_sapiens_U13369
 Rattus_norvegicus_NR_046239
 Gallus_gallus_KT445934.2
 GAACGAAAGC C--CATGACG CAATGAAGGT GAGGGTCGGT GAGCAC--CA GCT--GAGGT GGGATCCCGA GGCCACTGT--TTGC AGAGGGCG--
 CTGCAGAAA CCCTGTGGCG CAATGAAGGT GAGGGCCGGG GCGCCC--CG GCT--GAGGT GGGATCCCGC CGCCCTCC CCGGCCCCCG GGGGGGCGG GGGGGGCGG
 GTCCGAAAAGC CGCCGTGGCG CAATGAAGGT GAAGGGCCCG G--CCCAGGGT GCC--GAGGT GGGATCCCGA GGCCCTCC--AGTCCCG CGAGGGCG--
 GCACGAAAGC CGCCGTGGCG CAATGAAGGT GAAGGGCCCG GCGCTCGCCG GCC--GAGGT GGGATCCCGA GGCCCTCC--AGTCCCG CGAGGGCG--
 GTCCGAAAAGC CGCCGTGGCG CAATGAAGGT GAAGGGCCCG GTTCCCGGGG GCCCGAGGT GGGATCCCGA GGCCCTCC--AGTCCCG CGAGGGCG--
 GCGGAAAAGC C--CGCGCCG CAATGAAGGT GAGGGCCCGG GCGCC--CG GCT--GAGGT GGGATCCCGG GGCGGCAGGC--CGAAGGC CCGGGGCG--

1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
4444444444 4444444444 4444444444 4444444444 4444444444 4444444445 5555555555 5555555555 5555555555 5555555555 5555555555 5555555555
4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445
1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191 -----CA CCACTGACCT GTCTCGCCCA CCCCCTCAGG GAGGCGGAGC GTGAGCATAAC GTG-CTAGGA CCTGAAAAGAT GGTGAACTAT GCCTAGGAAG GGCAAAGCCA
Xenopus_laevis_X02995 CGGCGGGCCA CCACCGGCC GTCTCGCCC CGCCGTCGGG G-GGTGG-GC GTGAGCGCGC GCGATTAGGA CCCGAAAGAT GGTGAACTAT GCCTGGGCAG G-CGAAGCCA
Mus_musculus_NR_046233 -----CA CCACCGGCC GTCTCGCCC CGCCGTCGGG GAGGTGGAGC ACAGAGCGTAC GCG-TTAGGA CCCGAAAGAT GGTGAACTAT GCCTGGGCAG GGCGAAGCCA
Homo_sapiens_U13369 -----CA CCACCGGCC GTCTCGCCC CGCCGTCGGG GAGGTGGAGC ACAGAGCGCAC GTG-TTAGGA CCCGAAAGAT GGTGAACTAT GCCTGGGCAG GGCGAAGCCA
Rattus_norvegicus_NR_046239 -----CA CCACCGGCC GTCTCGCCC CGCCGTCGGG GAGGTGGAGC ACAGAGCGTAC GCG-TTAGGA CCCGAAAGAT GGTGAACTAT GCCTGGGCAG GGCGAAGC-A
Gallus_gallus_KT445934.2 -----CA CCACCGGCC GTCTCGCCC CCTCGCCGGG GAGGTGGAGC ATGAGCGCGC GTG-CTAGGA CCCGAAAGAT GGTGAACTAT GCCTGGGCAG GGCGAAGCCA

1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
5555555555 5555555555 5555555555 5555555555 5555555556 6666666666 6666666666 6666666666 6666666666 6666666666 6666666666 6666666666
5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667
1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191 AAGGAAACTC TGGTGGAGGT CCATAGCAGT ACTGACATGC AAATCGGTCA TCTGACTGG GTATAGGGGC GAAAGACTAA TTGAATCATC TAGTAGCTGG TTCCTC---
Xenopus_laevis_X02995 GAGGAAACTC TGGTGGAGGT CCGTAGCAGT CCTGACGTGC AAATCGGTTC TCCGACTGG -TATAGGGGC GAAAGACTAA TCGAACCATC TAGTAGCTGG TTCCTC---
Mus_musculus_NR_046233 GAGGAAACTC TGGTGGAGGT CCGTAGCAGT CCTGACGTGC AAATCGGTTC TCCGACTGG GTATAGGGGC GAAAGACTAA TCGAACCATC TAGTAGCTGG TTCCTC---
Homo_sapiens_U13369 GAGGAAACTC TGGTGGAGGT CCGTAGCAGT CCTGACGTGC AAATCGGTTC TCCGACTGG GTATAGGGGC GAAAGACTAA TCGAACCATC TAGTAGCTGG TTCCTC---
Rattus_norvegicus_NR_046239 GAGGAAACTC TGGTGGAGGT CCGTAGCAGT CCTGACGTGC AAATCGGTTC TCCGACTGG GTATAGGGGC GAAAGACTAA TCGAACCATC TAGTAGCTGG TTCCTC---
Gallus_gallus_KT445934.2 GAGGAAACTC TGGTGGAGGT CCGTAGCAGT CCTGACGTGC AAATCGGTTC TCCGACTGG GTATAGGGGC GAAAGACTAA TCGAACCATC TAGTAGCTGG TTCCTC---

1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
6666666666 6666666666 6666666666 6666666667 7777777777 7777777777 7777777777 7777777777 7777777777 7777777777 7777777777 7777777777
6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778
1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191 -----AGGATAGCTG GCACCTACC- -----CA T-----CT CCGCAGTTTT ATTTGTTAAA GTGAATGATT AGAGGTCTTG GGGCCAAA- CAATCTCAAC
Xenopus_laevis_X02995 AGTTTCCCTC AGGATAGCTG GCGCTCTCG- -----CG T-----CG -CGCAGTTTT ATCCGGTAAA GCGAATGATT AGAGGTCTTG GGGCCGAAAT CGATCTCAAC
Mus_musculus_NR_046233 AGTTTCCCTC AGGATAGCTG GCGCTCTCG- -----CT C-CCGACG-T ACGCAGTTTT ATCCGGTAAA GCGAATGATT AGAGGTCTTG GGGCCGAAA- CGATCTCAAC
Homo_sapiens_U13369 AGTTTCCCTC AGGATAGCTG GCGCTCTCGC AGACCCGACG CACCCCGGCC ACGCAGTTTT ATCCGGTAAA GCGAATGATT AGAGGTCTTG GGGCCGAAA- CGATCTCAAC
Rattus_norvegicus_NR_046239 AGTTTCCCTC AGGATAGCTG GCGCTCTCGC AACGCGTTCG C-TCGACAAC CCGCAGTTTT ATCCGGTAAA GCGAATGATT AGAGGTCTTG GGGCCGAAA- CGATCTCAAC
Gallus_gallus_KT445934.2 AGTTTCCCTC AGGATAGCTG GCGCTCGGG- -----G C-----GGCG GTGCAGTTTT ACCCGGTAAA GCGAATGATT AGAGGTCTTG GGGCCGAAA- CGATCTCAAC

1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
7777777777 7777777777 7777777778 8888888888 8888888888 8888888888 8888888888 8888888888 8888888888 8888888888 8888888888 8888888888
7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889
1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191 CCAATTCTCAA ACTTTAAATG GGTAAAGAAGC CTGGCTCAGT GGTGTGGAGC CTGG-TGTGG AATGCGA-GT GCC-TAGTGG GCCACTTTGT GTAAGCGGAG CTGGTGCTGC
Xenopus_laevis_X02995 CTATTCTCAA ACTTTAAATG GGTAAAGAAGC CCGGCTCGCT GGCTTGGAGC CGGGCGTGG AATGCGGAC GCCATAGTGG GCCACTTTTG GTAAGCAGAA CTGGCGCTGC
Mus_musculus_NR_046233 CTATTCTCAA ACTTTAAATG GGTAAAGAAGC CCGGCTCGCT GGCGTGGAGC CGGG-CGTGG AATGCGA-GT GCC-TAGTGG GCCACTTTTG GTAAGCAGAA CTGGCGCTGC
Homo_sapiens_U13369 CTATTCTCAA ACTTTAAATG GGTAAAGAAGC CCGGCTCGCT GGCGTGGAGC CGGG-CGTGG AATGCGA-GT GCC-TAGTGG GCCACTTTTG GTAAGCAGAA CTGGCGCTGC
Rattus_norvegicus_NR_046239 CTATTCTCAA ACTTTAAATG GGTAAAGAAGC CCGGCTCGCT GGCGTGGAGC CGGG-CGTGG A-TGCGA-GT GCC-TAGTGG GCCACTTTTG GTAAGCAGAA CTGGCGCTGC
Gallus_gallus_KT445934.2 CTATTCTCAA ACTTTCAATG GGTAAAGACG CCGGCTCGCT GGCGTGGAGC CGGGCCGTGG AATGCGA-GC GCT-CAGTGG GCCACTTTTG GTAAGCAGAA CTGGCGCTGC

```
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
8888888888 8888888889 9999999999 9999999999 9999999999 9999999999 9999999999 9999999999 9999999999 9999999999 9999999999 9999999999
88888888889 9999999990 0000000001 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 8888888889
1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191 GGAATGAACT GAATGCCGAG TTAAGGTGCT CAATGCTGAC GCTCATCAGA CCCAGAAAAA GGTGTTGGTT GATATAGACC TCAGGACGGT GGCCATGGAA GTTGGAACTCT
Xenopus_laevis_X02995 GGGATGAACC GAACGCCGGG TTAAGGCGCC CGATGCCGAC GCTCATCAGA CCCAGAAAAA GGTGTTGGTT GATATAGACA GCAGGACGGT GGCCATGGAA GTCGGAATCC
Mus_musculus_NR_046233 GGGATGAACC GAACGCCGGG TTAAGGCGCC CGATGCCGAC GCTCATCAGA CCCAGAAAAA GGTGTTGGTT GATATAGACA GCAGGACGGT GGCCATGGAA GTCGGAATCC
Homo_sapiens_U13369 GGGATGAACC GAACGCCGGG TTAAGGCGCC CGATGCCGAC GCTCATCAGA CCCAGAAAAA GGTGTTGGTT GATATAGACA GCAGGACGGT GGCCATGGAA GTCGGAATCC
Rattus_norvegicus_NR_046239 GGGATGAACC GAACGCCGGG TTAAGGCGCC CGATGCCGAC GCTCATCAGA CCCAGAAAAA GGTGTTGGTT GATATAGACA GCAGGACGGT GGCCATGGAA GTCGGAATCC
Gallus_gallus_KT445934.2 GGGATGAACC GAACGCCGGG TTAAGGCGCC CGATGCCGAC GCTCATCAGA CCCAGAAAAA GGTGTTGGTT GATCTAGACA GCAGGACGGT GGCCATGGAA GTCGGAATCC
```

```
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
1111111112 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222
9999999990 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000000 0000000001
9999999990 0000000001 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 9999999990
1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191 GCTAAAGAGT GTGTAACAAC TCACCTGCCA AATCAACTAG CCCTGAAAAT GGATGGCGCT GGAGCGTCGG GCCCATAACC GGCCGTCGCC G-----
Xenopus_laevis_X02995 GCTAAGGAGT GTGTAACAAC TCACCTGCCG AATCAACTAG CCCTGAAAAT GGATGGCGCT GGAGCGTCGG GCCCATAACC GGCCGTCGCC G-CAGTCGGA ACGGAACGGG
Mus_musculus_NR_046233 GCTAAGGAGT GTGTAACAAC TCACCTGCCG AATCAACTAG CCCTGAAAAT GGATGGCGCT GGAGCGTCGG GCCCATAACC GGCCGTCGCC GGCACTCGAG AGTGGACGGG
Homo_sapiens_U13369 GCTAAGGAGT GTGTAACAAC TCACCTGCCG AATCAACTAG CCCTGAAAAT GGATGGCGCT GGAGCGTCGG GCCCATAACC GGCCGTCGCC GGCAGTCGGA ACGG----G
Rattus_norvegicus_NR_046239 GCTAAGGAGT GTGTAACAAC TCACCTGCCG AATCAACTAG CCCTGAAAAT GGATGGCGCT GGAGCGTCGG GCCCATAACC GGCCGTCGCC GGCAGTCGGA ACGG----G
Gallus_gallus_KT445934.2 GCTAAGGAGT GTGTAACAAC TCACCTGCCG AATCAACTAG CCCTGAAAAT GGATGGCGCT GGAGCGTCGG GCCCATAACC GGCCGTCGCC G-----
```

```
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111112 2222222222
0000000001 1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112
1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191 -----
Xenopus_laevis_X02995 -----
Mus_musculus_NR_046233 A----CGGGA GCGGC-CGCG GGTGCGCGTC TCTCGGG--- GTCGGGGGTG CGTGGCGGGG GC----- -----CC GTCCC----- -----CCGCC
Homo_sapiens_U13369 AGCGGC GCGGC-CGCG CGCGCGCGCG TGTGTTGTGC GTCGGAGGGC GGCGGCGCGC GCGGCGCGCG GGGTGTGGGG TCC'TCCCCC GCCCCCCCCC CCACGCCTCC
Rattus_norvegicus_NR_046239 A----CGGGA GCGGC-CGCG GGCGCGCGAC CCCGGGG--- GCCGGGCGGC GTCGGGTTTC GC----- -----CG G----- -----CCGCC
Gallus_gallus_KT445934.2 -----
```

```
1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111 1111111111
2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222
2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222222 2222222223 3333333333 3333333333
1111111112 2222222223 3333333334 4444444445 5555555556 6666666667 7777777778 8888888889 9999999990 0000000001 1111111112 1111111112
1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890 1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191 -----GA AATGAGAG-- --CATGGGG GCTAGGCTGT GAT-GAGTAG GAGGGCCTCT GTGCTGGGCC TTGAAGCCTA GGGCACGGGC
Xenopus_laevis_X02995 -----GCGC TGGGTCAG-- -TCGCGGGG GCTAGGCCGC GACTGAGTAG GAGGGCCCG CCGGTTGGCG CGGAAGCGC- GCGCGAGGGC
Mus_musculus_NR_046233 TCCCTCCGC GCGCCGG-GT TCGCCCCCGC GCGCTCGG-G CCCCAGCCGC CCTACGCCGC GAC-GAGTAG GAGGGCCGCT CCGGTGAGCC TTGAAGCCTA GGGCGCGGGC
Homo_sapiens_U13369 TCCCTCCTC CCGCCCACGC CCCGCTCCCC GCCCCGGAG CCCCAGCCGC GCTACGCCGC GAC-GAGTAG GAGGGCCGCT CCGGTGAGCC TTGAAGCCTA GGGCGCGGGC
Rattus_norvegicus_NR_046239 GCCGTCCAC CCCCAGCG-GC TC-CCCCCGC GCGCTCGG-G CCCCAGCCGC CCTACGCCGC GAC-GAGTAG GAGGGCCGCT CCGGTGAGCC TTGAAGCCTA GGGCGCGGGC
Gallus_gallus_KT445934.2 -----GC GGTGCGGA-- -GCCCGGGG GCTACGCCGC GAC-GAGTAG GAGGGCCGCT CCGGTGAGCC TTGAAGCCTA GGGCGCGGGC
```


	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	CCGCGGGGGT	TCCGGAGCGG	GAGGAACCCG	CGG-TCCCGG	GTGGGGCGGG	GGGCCCGGAC	ACTCGGGGGG	--CCGCGCGG	GGCGGCGACT	CTGGATGCAA	TCCGGGCCCT	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	CGGCGGCCG-	-CCGGGGCGG	CCGGCGGGGG	CAGGTCCCGG	CGAGGG--G	GGCCCCGGGG	ACCCGGGGGG	--CCGGCGGC	GGCGGCGACT	CTGGACGCGA	GCCGGGCCCT	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	CCGCGCGGG-	-CCGGAGCGG	GGGGAACCCG	CGGGCCCCCG	GTGGGG--GG	GGGCCCGGAC	ACCCGGGGGG	GACCGGCGGC	GGCGGCGACT	CTGGACGCGA	GCCGGGCCCT	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	TCCTGTGGAT	TGCCTCAGCT	GCAGCGGGCT	TCAC----CT	GCCTCT----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	TCCTGTGGAT	CGCCCCAGCT	GCGGCGCGCG	-----CC	TCTCCC----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	TCCCGTGGAT	CGCCTCAGCT	GCGGCGGGCG	TCGC--GGCC	GCTCCCGGGG	AGCCCGGGCG	GTG--CCGGC	GCGGGTCCC-	-CTCCCCGCG	GGGCTCGCT	CCACCCCC	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	TCCCGTGGAT	CGCCCCAGCT	GCGGCGGGCG	TCGC--GGCC	GCCCCCGGGG	AGCCCGGGCG	-CGGCGGGC	GCGCCCCCA	CCCCACC	ACGTCTCGGT	CGCGCGCGCG	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	TCCCGTGGAT	CGCCCCAGCT	GCGGCGGGCG	TCGC--GGCC	GCTCCCGGGG	AGCCCGGGCG	GTGCCCCGGC	GGGGTTTTC-	-CTCC-----	-GGCTCGCT	CTCCCCCTT	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	TCCCGTGGAT	CGCCCCAGCT	GCGGCGGGCG	CCGCTCGGCG	CCCTCCGTTG	CCCTCCGCCC	CCCGCTTCCC	GGGCGCCCTC	CCGTGCGCG	TCGTCCCGCG	CGCCCCCGT	-----	-----	-----	-----	-----

	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	A-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	ATCGCC----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	TCCGCTGGGG	GCGGGAGCGG	TCGGGCGGGC	GCGGTTCGGC	GGCGCGGGG	CGGGGCGGTT	CGTCCCCCG	CCCTACCC	CCGGCCCCG	CCGCCCCCG	TTCCCCCTC	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	CCCGAGCG--	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333
	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555
	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	CTCCTCGGCG	CGCGCGGGC	GCGGCGGCG	GCGGCGGAGG	GGCCCGGGC	CGTCCCC	CGCCGGTCC	GCCCCCGGG	CCGCGTTTT	CCGCGGGCG	CCCCCGCTC	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

Crocodylus_porosus_EU727191
Xenopus_laevis_X02995
Mus_musculus_NR_046233
Homo_sapiens_U13369
Rattus_norvegicus_NR_046239
Gallus_gallus_KT445934.2

Crocodylus_porosus_EU727191
Xenopus_laevis_X02995
Mus_musculus_NR_046233
Homo_sapiens_U13369
Rattus_norvegicus_NR_046239
Gallus_gallus_KT445934.2

Crocodylus_porosus_EU727191
Xenopus_laevis_X02995
Mus_musculus_NR_046233
Homo_sapiens_U13369
Rattus_norvegicus_NR_046239
Gallus_gallus_KT445934.2

Crocodylus_porosus_EU727191
Xenopus_laevis_X02995
Mus_musculus_NR_046233
Homo_sapiens_U13369
Rattus_norvegicus_NR_046239
Gallus_gallus_KT445934.2

	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	0000000000	0000000001	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	AGGAATCTTG	CTGAAACTTG	TTGGTGCCTG	CAGTTGTCTG	GCAGGTGGGG	TGGGTGAAAC	ATACTGGAAC	TGACAACCAG	GCAAGGGGGA	TAGCCCTCT	TCTAGGGGTG			
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	1111111112	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222223	2222222223
	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	GTGGCCTGGA	GGCAGAAGA	CTTCTGTCCC	CATGCCTTGT	GCTGATAGAG	GGGAGTCTCA	GTGACCGGTG	CAAGTGGAAC	TTGAAGTTA	GTCAGTTGGG	TGCAACATCC			
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333333	3333333334	4444444444	4444444444
	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	CGGCTGCATG	CCCAGAAAGG	TGGGGGGTGA	GGATCAGGAC	TACTCACCTC	CAGTTCCTGCT	GAGCATAAAG	CTAACAGAA	CTGATGATCA	GGCAAGGCGG	GCTCACCCCA			
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444
	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444444	4444444445	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555
	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445
	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Crocodylus_porosus_EU727191	CTTCTGGA	TGGCAGCCTG	GAATAATGGA	TGGTTTCTG	CCCCCATC	TTGTGCTCAC	AGAGGGGAGC	CTCAGTGACC	GGTACAAGCT	AACTTGATG	GTTAGTCAGT			
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----GG	TAGCCAAATG	CCTCGTCATC	TAATTAGTGA	CGCGCATGAA	TGGATGAACG	AGATTCCCAC			
Mus_musculus_NR_046233	-----	-----	-----	-----	-----GG	TAGCCAAATG	CCTCGTCATC	TAATTAGTGA	CGCGCATGAA	TGGATGAACG	AGATTCCCAC			
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----GG	TAGCCAAATG	CCTCGTCATC	TAATTAGTGA	CGCGCATGAA	TGGATGAACG	AGATTCCCAC			
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----GG	TAGCCAAATG	CCTCGTCATC	TAATTAGTGA	CGCGCATGAA	TGGATGAACG	AGATTCCCAC			
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----GG	TAGCCAAATG	CCTCGTCATC	TAATTAGTGA	CGCGCATGAA	TGGATGAACG	AGATTCCCAC			

Crocodylus_porosus_EU727191	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
Xenopus_laevis_X02995	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555
Mus_musculus_NR_046233	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888	8888888888
Homo_sapiens_U13369	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667
Rattus_norvegicus_NR_046239	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	GCTCCCCTTT	CCGCGGGGGG	GAGAGAGCGG	CGGCGGGGCG	GGGGGAGGC	GGCGGGCGA	CCGCCGCCG	CCCGGGGACC	GTCCCGTCCC	CCGGCCTCTC	CCGCAGGGAG	CGTCGGCTCTC	CGTCGGCTCTC
Mus_musculus_NR_046233	CTCGGCCCCC	GC CGGTTC	CCGAAACGACC	GTGTGGTGGT	TGGGGGGGGG	ATCGTCTTCT	CCTCCGTCTC	CCGAGGACGG	TTCGTTTCTC	TTTCCCCTTC	CGTCGGCTCTC	CGTCGGCTCTC	CGTCGGCTCTC
Homo_sapiens_U13369	CCCCGCCCTCT	CCCCCGCACC	CGCGCGTGGT	GGTGGGGTGG	GGGGGAGGGC	GC GCGACCCC	GGTCGGCCCG	CCCGCTTCTT	CGGTTCCCGC	CTCCTCCCCC	TTCACGCCGG	CGTCGGCTCTC	CGTCGGCTCTC
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	TCCCCGCGCC	GCTCCGTTTG	TTCTGGGTT	CGTTCGTTTC	TTCTTCCTT	CCTTCCCCCG	CCCCGCGCCG	GCGCCGGCGC	GGGGTTGGAA	AGAGGGGGAG	AGGGGGGGGG	CGTCGGCTCTC	CGTCGGCTCTC
Crocodylus_porosus_EU727191	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
Xenopus_laevis_X02995	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555555	5555555556	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
Mus_musculus_NR_046233	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999999	9999999990	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000
Homo_sapiens_U13369	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778
Rattus_norvegicus_NR_046239	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	GGGGCCGAAG	GCCCCGCCCC	CGCACCCCCC	CTCCCTCCCG	CC-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	CTTGGGTGTG	GGAGCCTCGT	GCCGTGCGGA	CCGCGCCCTG	CCGTGCGCTG	CCGCCGCAGC	CCCTTGCCCT	CCGGCCTTGG	CCAAGCCGGA	GGGCGGAGGA	GGGGGATCGG	GGGGGATCGG	GGGGGATCGG
Homo_sapiens_U13369	GGCGGCTCGT	CCGCTCCGGG	CCGGGACGGG	GTCCGGGGAG	CGTGGTTTGG	GAGCCGCGGA	GGCGCCGCGC	CGAGCCGGGC	CCCCTGGCCC	GCCGGTCCCC	GTCCCGGGGG	GTCCCGGGGG	GTCCCGGGGG
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	GGCGCGGCCG	GCCCCCTTCC	CCGTTTCCGT	CCCCGCGGGC	CGTGCCGTGG	GACGGGCTCC	CTCCGTTTTC	CCCAGCCCGG	GGGGTTGACC	TGGCGGCCGG	GCGGCCGGGC	GCGGCCGGGC	GCGGCCGGGC
Crocodylus_porosus_EU727191	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
Xenopus_laevis_X02995	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
Mus_musculus_NR_046233	0000000000	0000000000	0000000000	0000000000	0000000001	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
Homo_sapiens_U13369	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889
Rattus_norvegicus_NR_046239	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	CGGCGGCGGC	GACCGCGGCG	CGGTGACGCA	CGGTGGGATC	CCCATCCTCG	GCGCGTCCGT	CGGGGACGGC	CGGTTGGAGG	GGCGGGAGGG	GTTTTTCCCG	TGAACGCCCG	TGAACGCCCG	TGAACGCCCG
Mus_musculus_NR_046233	TTGGCCGCGC	GGCGCGGTGG	GGGGCCACCC	GGGGTCCCGG	CCCTCGCG--	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	TAGGGGGCGC	TCCGCGTCCC	CCTTCGGGGG	GTTGACCTGT	CGGGCG----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Crocodylus_porosus_EU727191	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111	1111111111
Xenopus_laevis_X02995	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666	6666666666
Mus_musculus_NR_046233	1111111111	1111111111	1111111112	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222	2222222222
Homo_sapiens_U13369	7777777778	8888888889	9999999990	0000000001	1111111112	2222222223	3333333334	4444444445	5555555556	6666666667	7777777778	8888888889	9999999990
Rattus_norvegicus_NR_046239	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890	1234567890
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Xenopus_laevis_X02995	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Mus_musculus_NR_046233	GTTTCGGCGC	AGGCCTCTGG	CGGCCGGGGG	GGCGCTCTCT	CCGCCCGAGC	ATCCCCACTC	CCGCCCTTCC	TCTTCGCGCG	CCGCGGCGGC	GACGTGCGTA	CGAGGGGAGG	CGAGGGGAGG	CGAGGGGAGG
Homo_sapiens_U13369	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Rattus_norvegicus_NR_046239	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
Gallus_gallus_KT445934.2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----

