

Table S3 qRT-PCR primer sequences

Target Gene	GENE ID	Primer Sequences	Product size
Sp, Mf- <i>pcna</i>	SPU_023334	(F) GCATTCCAGACACAGAATATGCA (R) GGCTCAGATCTCGACAAATCCT	78
Sp- <i>tert</i>	SPU_026612	(F) CTCTGCATCCCCAAAGACAAG (R) GCTAATATGACATGATGGGATTCCCT	81
Sp- <i>seawi</i>	SPU_023335	(F) CAAGGTCCTATGTAACGAGTCAGTACTAG (R) TCTCGGAACCTGATGTTGTTTG	81
Sp- <i>vasa</i>	SPU_008908	(F) GAGGATGCATCAGCACCTTCA (R) CGGGTTGGCGAGACGAT	64
Sp- <i>nanos2</i>	DQ286228 (GenBank)	(F) AACGGAGAGAGCGAGATGGTAT (R) AGTATCGGGCAGGTTGTGATG	74
Lv- <i>pcna</i>		(F) ATGTCATCATTAGCAGCACACTTTAA (R) GACCAATTTAGATGTGATCGCAAT	96
Lv- <i>tert</i>		(F) ACGTCGAGTGGACTTCAGAAGAC (R) GCTTGGCCATCTCGATTAACCTG	88
Lv- <i>seawi</i>		(F) TCCCGAGTTGTGCAGTCGTA (R) GCGTGGCTAGATCCTTCATGA	77
Lv- <i>vasa</i>		(F) GGTGAGCGTCAGACCCTGAT (R) CGTTGAGGTACATCCTAGCCTTCT	76
Lv- <i>nanos</i>		(F) ACAACAACGTAGTGTCAAATGCAA (R) CGCTCCTCTCATCACTTTCGA	89
Mf- <i>tert</i>		(F) GGGTGTGTTCTGTTTGTAGCT (R) TCATCAATGTGTACCATCTCCTTCTACT	92
Mf- <i>seawi</i>		(F) TGGGTGCTGGCTGCTGTT (R) GCTACAGATGGCTTCCCTTCA	92
Mf- <i>vasa</i>		(F) CTCGCAATGTTGGCATCCT (R) CGGACGTGTCGGAAACCT	69
Mf- <i>nanos</i>		(F) ACCGGGTTTCATGCCATTG (R) CTCATCACCTTGGAGAGCTCAGT	68

Sp Lv Mf <i>actin1</i>	SPU_006797	(F) GGTCAGGTCATCACTATTG (R) GCTGTTGTATGTGGTCTC	111
Sp- <i>ubiquitin</i>	SPU_021496	(F) ACACTTCATCTTGTTCTCAG (R) GATGGAGTCACTTGGTTC	102
Lv- <i>ubiquitin</i>		(F) CCATCACTCTTGAGGTTGAG (R) AGATGAGACGCTGCTGAT	99
Mf- <i>ubiquitin</i>		(F) GGATCTTAGCCTTTACATTCT (R) ACTCTCCATCTCGTTCTC	124
Sp- <i>profilin</i>	SPU_020197	(F) GGAAAAAGAAAGGTGAAGGATCAC (R) TGGGCAATGACCGATTACAA	71
Lv- <i>profilin</i>		(F) TGCAGGCGAGTAAGACAGCTATA (R) CTCCTTTATTCAAGTTCCCTTGCT	75
Mf- <i>profilin</i>		(F) CGCCAACCTCCTTTATTTGTATTCC (R) TCTTTTTCCACTCTACAGCGATTG	81
Sp, Mf- <i>cyc7</i>	SPU_008305	(F) AGTTTCCATCGTGTCATC (R) CTGTGATCCATTGGTGTT	180
Lv- <i>cyclophilin7</i>		(F) CCTCCTTCCACAGGGTTATCC (R) GTACCGTTGCCCTGGTAAA	67
Sp, Mf- <i>rpl8</i>	SPU_010692	(F) GCCATGGTCGGAGTTGTTG (R) TTGCGTTTGACCTTGTACTTGAA	92
Lv- <i>rpl8</i>		(F) GCCAACAGGGCCATGGT (R) TTACGCTTGACCTTGTATTTGAAGTAG	104
Lv- <i>gapdh</i>		(F) CGAATCACCAAGGAAATC (R) CAGCAGACTCTAAGGAAT	80
