

Chr	BP	SNP	REF	ALT	Imputation Quality	Genotype	Genotype	Eur Freq	Eur Beta	Eur SE	Eur P	As Freq	As Beta	As SE	As P	AFA Freq	AFA Beta	AFA SE	AFA P	Meta Beta	Meta SE	Meta P
19	41339896	rs14339896	T	C	0.95654	Genotyped	0.31842453	-0.31320506	0.05241822	1.02E-08	0.52138235	-0.40013871	0.09385164	0.00011151	0.13077551	-0.58396982	0.11167074	5.69E-06	-0.36983836	0.04234602	2.46E-18	
19	41340321	rs14340321	T	C	0.94834	Genotyped	0.31879459	-0.31429469	0.05223066	8.1E-10	0.51347059	-0.40023979	0.0948293	0.00012768	0.30547959	-0.59145573	0.11377771	6.28E-06	-0.37080865	0.04244834	8.82E-18	
19	41340317	rs14340317	T	C	0.97637	Genotyped	0.31829953	-0.32663372	0.05499994	1.8E-10	0.57840196	-0.35670211	0.08611209	0.00016248	0.49282653	-0.40156717	0.10667949	0.00052205	-0.3458377	0.03985199	6.61E-18	
19	41340983	rs14340983	T	C	0.94423	Genotyped	0.31959096	-0.31428977	0.05165643	0.94E-08	0.50921257	-0.39167639	0.0951672	0.00019084	0.2956327	-0.58617459	0.11747459	1.22E-05	-0.31699729	0.04399272	7.58E-18	
19	41353849	rs14353849	T	C	0.89433	Genotyped	0.3963467	-0.31672591	0.04815464	3.98E-10	0.55135294	-0.38117427	0.09305236	0.000186	0.59571429	-0.38868812	0.13396102	0.00011336	-0.33577444	0.04074143	1.70E-16	
19	41343150	rs14343150	T	G	0.93439	Genotyped	0.36349057	-0.30812935	0.04979931	3.32E-08	0.51865686	-0.38480551	0.09333403	0.00017251	0.3495102	-0.48723447	0.13354004	0.00051049	-0.34152278	0.04165452	2.43E-16	
19	41341589	rs14341589	T	G	0.87993	Genotyped	0.3128184	-0.3047313	0.05270628	2.76E-08	0.44832353	-0.413461	0.1813805	0.00042495	0.26920408	-0.58413784	0.12688086	4.95E-05	-0.35732756	0.04457633	8.13E-16	
19	41341229	rs14341229	T	G	0.90839	Genotyped	0.29684906	-0.28539709	0.05384858	3.10E-07	0.42951961	-0.39335306	0.11066115	0.00153489	0.21407143	-0.54635276	0.12538742	8.03E-05	-0.3638537	0.04552154	1.46E-13	
19	41354712	rs14354712	T	G	0.85231	Genotyped	0.37286231	-0.29459037	0.05078539	2.50E-08	0.48134314	-0.3639976	0.10785535	0.00159891	0.56015306	-0.35886329	0.15003832	0.0215812	-0.31161882	0.04939179	1.31E-12	
19	41374558	rs14374558	T	CA	0.6654	NA	0.4596613	-0.31179913	0.05468553	4.14E-08	0.5714902	-0.36558638	0.0522897	0.0012022	0.59992857	-0.42710847	0.13733015	0.0181688	-0.33097878	0.04677229	4.95E-12	
19	41363098	rs14363098	T	C	0.78055	NA	0.33971945	-0.31920961	0.05425451	1.67E-08	0.38219608	-0.36974915	0.11002252	0.02864152	0.47697959	-0.38215206	0.15679797	0.0334124	-0.31699729	0.04709326	1.68E-17	
19	41342459	rs14342459	T	G	0.84417	NA	0.42030896	-0.28923859	0.05183483	4.99E-07	0.51221566	-0.38509409	0.09477196	0.00020185	0.56693878	-0.28370565	0.16623744	0.09564443	-0.2925285	0.04386529	1.69E-11	
19	41363301	rs14363301	T	T	0.78045	NA	0.31097877	-0.31193236	0.05414791	3.07E-08	0.53921527	-0.24057102	0.117903	0.0476286	0.42067347	-0.33254338	0.14534242	0.02750006	-0.30000304	0.04668003	8.09E-11	
19	41348062	rs14348062	T	C	0.98371	NA	0.49062972	-0.25070655	0.0489329	6.96E-07	0.56177451	-0.37507132	0.08457497	6.51E-05	0.86388776	-0.02716742	0.15558856	0.86226638	-0.26423226	0.04068748	9.94E-11	
19	41348054	rs14348054	T	C	0.98723	NA	0.49008491	-0.25047313	0.04890368	7.02E-07	0.56075459	-0.37421776	0.08444001	6.58E-05	0.86552041	-0.02897839	0.15501684	0.86256493	-0.2640338	0.04082528	9.97E-11	
19	41347998	rs14347998	T	C	0.97963	Genotyped	0.48629717	-0.2477011	0.04881918	1.14E-07	0.55878431	-0.37260714	0.08419315	6.71E-05	0.8831633	-0.03095431	0.15055956	0.8381497	-0.26105824	0.04071077	1.43E-10	
19	41374900	rs14374900	T	CTA	0.52556	NA	0.0861013	-0.60253342	0.12187409	9.16E-06	0.16489216	-0.50211594	0.1483385	0.00155365	0.18113265	-0.46213466	0.139462	0.02171284	-0.54292479	0.04867707	1.43E-10	
19	41338712	rs14338712	T	C	0.99978	Genotyped	0.37540802	-0.22537056	0.04618531	2.14E-06	0.07941337	0.146840044	0.19569566	0.05716809	0.2236735	0.36261149	0.0954873	4.42E-05	0.36043504	0.0406461	1.80E-09	
19	41372475	rs14372475	T	G	0.9786	Genotyped	0.04932075	-0.49314389	0.05957797	5.87E-07	0.17546708	-0.38428161	0.12459911	0.0036915	0.16431633	-0.3400462	0.1325987	0.02718435	-0.41619615	0.06588305	2.66E-10	
19	41354941	rs14354941	T	G	0.73991	NA	0.28955189	-0.30893688	0.05900545	4.09E-07	0.4012549	-0.36892963	0.12453055	0.00500534	0.32162651	-0.32206884	0.16606652	0.06011673	-0.32014374	0.0410701	2.90E-10	
19	41354942	rs14354942	T	G	0.73733	NA	0.28856131	-0.30770171	0.05911449	4.34E-07	0.39804902	-0.36628622	0.12519443	0.00552302	0.31428571	-0.32136832	0.16751894	0.06221752	-0.31865672	0.05092326	3.91E-10	
19	41332357	rs14332357	T	G	0.99346	Genotyped	0.31683491	-0.25461956	0.04831658	4.78E-07	0.04879412	0.252908718	0.2494341	0.2672616	0.47657143	0.392350567	0.11716371	0.00177853	0.27381652	0.04381209	4.11E-10	
19	41375083	rs14375083	T	C	0.4076	NA	0.605	-0.38405347	0.072418	9.57E-07	0.70283333	-0.42535155	0.15405492	0.00850699	0.78877876	-0.372181	0.2315579	0.11582296	-0.3900527	0.06306403	6.17E-10	
19	41340397	rs14340397	T	C	0.31426	NA	0.01534906	-1.41153146	0.30715975	2.98E-06	0.06682353	-1.12431502	0.34513287	0.00227266	0.02832653	-1.27958099	0.56070705	0.012817	-0.23230078	0.02123202	1.50E-10	
19	41340396	rs14340396	T	C	0.51049	NA	0.01597923	-1.24109993	0.30945676	1.63E-05	0.24167993	-1.08252598	0.34513287	0.00227266	0.02832653	-1.27958099	0.56070705	0.012817	-0.23230078	0.02123202	1.50E-10	
19	41343926	rs14343926	T	G	0.86024	NA	0.01836085	-1.16247542	0.27500544	1.04E-06	0.07655882	-0.9339134	0.29196683	0.0023189	0.03016327	-1.15104759	0.475982	0.0202405	-0.17053788	0.178801	1.83E-09	
19	41340579	rs14340579	T	C	0.91794	NA	0.01595991	-1.37140344	0.30064761	1.88E-07	0.06908004	-1.08947085	0.33411601	0.0022082	0.03142857	-1.15478152	0.475982	0.0202405	-0.17053788	0.178801	1.83E-09	
19	41345989	rs14345989	T	G	0.76141	NA	0.3406533	-0.25818996	0.05792523	1.38E-05	0.39158824	-0.39921096	0.1283566	0.00335458	0.47079592	-0.4261028	0.15479002	0.0088293	-0.29709571	0.04998751	2.79E-09	
19	41346099	rs14346099	T	G	0.97572	NA	0.48354953	-0.23144692	0.05026541	7.29E-06	0.52969608	-0.38457342	0.0590176	0.00011792	0.84743878	-0.04167239	0.15753924	0.792737	-0.25119043	0.0423507	2.99E-09	
19	41375102	rs14375102	T	C	0.39034	NA	0.61949292	-0.37477881	0.07493308	1.41E-06	0.17584314	-0.48599612	0.15703938	0.00783279	0.68123679	-0.35651367	0.2321739	0.31021232	-0.3900527	0.06495282	3.87E-09	
19	41332832	rs14332832	T	G	0.87202	NA	0.2796832	-0.3280406	0.05954843	5.99E-05	0.27419608	-0.1594942	0.16126674	0.2383265	0.2714486	-0.5517246	0.1174672	3.14E-05	-0.27849671	0.04820252	5.78E-09	
19	41354062	rs14354062	T	G	0.91541	NA	0.3515897	-0.24619973	0.05259588	4.13E-05	0.24167993	-0.36892963	0.12453055	0.00500534	0.32162651	-0.32206884	0.16606652	0.06011673	-0.32014374	0.0410701	2.90E-10	
19	41370132	rs14370132	T	C	0.36082	NA	0.01322406	-1.93882594	0.34843685	0.0003607	0.05775459	-1.21498523	0.2939004	0.00064194	0.0474749	-0.4749325	0.3262719	0.1972233	-1.81301	0.2058767	9.13E-09	
19	41347668	rs14347668	T	C	0.99334	Genotyped	0.48292922	-0.21539391	0.05064195	3.80E-05	0.59312745	-0.38007112	0.08986128	0.00010839	0.85112004	-0.05630845	0.17347671	0.04270639	-0.32014374	0.0410701	2.90E-10	
19	41340323	rs14340323	T	C	0.92286	NA	0.27357783	-0.24135721	0.05663032	3.10E-05	0.3529412	-0.27346283	0.12324683	0.04485281	0.2045102	-0.4644837	0.1321592	0.00111069	-0.27561128	0.0484592	1.27E-08	
19	41355195	rs14355195	T	C	0.80432	NA	0.28095528	-0.27310274	0.05739272	3.70E-06	0.38108824	-0.33622643	0.12684647	0.01127969	0.27955102	-0.33923243	0.1699003	0.1762317	-0.27951132	0.04997613	2.23E-08	
19	41375030	rs14375030	T	C	0.61719	NA	0.04943396	-0.52991791	0.12392822	2.92E-05	0.14822353	-0.49665433	0.15196355	0.00212623	0.2823469	-0.4164286	0.1621125	0.06217229	-0.2954327	0.0940044	5.66E-08	
19	41343842	rs14343842	T	G	0.99604	NA	0.47216557	-0.20214319	0.05075728	8.79E-05	0.48965686	-0.3931422	0.09877803	0.0002378	0.28521938	-0.11942126	0.16240014	0.4654321	-0.31245422	0.04431178	5.66E-08	
19	41354062	rs14354062	T	G	0.91541	NA	0.3515897	-0.24619973	0.05259588	4.13E-05	0.24167993	-0.36892963	0.12453055	0.00500534	0.32162651	-0.32206884	0.16606652	0.06011673	-0.32014374	0.0410701	2.90E-10	
19	41371100	rs14371100	T	C	0.90177	NA	0.1187736	-														

6	37100546	6.37100546	G	A	0.88967	NA	0.14717217	-0.1971961	0.06459785	0.00257195	0.04156863	-0.08026353	0.28191329	0.77726551	0.25636735	-0.52643724	0.13007705	0.00023067	-0.25497063	0.05667505	6.83E-06
19	41343199	19.41343199	G	A	1.00124	Genotyped	0.05425708	-0.38905217	0.09892224	0.00011516	0.23529412	-0.19302437	0.12972188	0.14422481	0.10204082	-0.33314973	0.16682182	0.05265598	-0.31991602	0.07114788	6.91E-06
4	14337923	19.41337923	G	T	1.00132	Genotyped	0.05424057	-0.38917949	0.09896153	0.00011528	0.2352451	-0.19307148	0.12978746	0.14432703	0.10204082	-0.33314973	0.16682182	0.05265598	-0.32006622	0.07117332	6.92E-06
22	26295699	22.26295699	G	A	0.40615	NA	0.02128302	0.299280424	0.34337862	0.38446957	0.00202941	2.55191534	0.92398087	0.00884753	0.13994988	0.82588996	0.19784727	0.00015696	0.375735801	0.16860051	3.98E-06
20	44865110	20.44865110	T	A	0.68533	NA	0.74200236	-0.16346626	0.064643249	0.01219542	0.0077451	0.17688441	0.5958451	0.5046708	0.4217551	-0.5092399	0.10447147	1.76E-05	-0.2405984	0.0537171	6.75E-06
5	64004915	5.64004915	G	A	0.60405	NA	0.02803302	0.39855539	0.28490899	0.16349325	0.0280089	2.470915664	1.52338528	0.11435112	0.30067347	0.18957032	0.12507333	0.00016857	0.51067327	0.11418329	7.80E-06
2	1085637	10.217979674	G	C	0.3155	NA	0.18560377	-0.47564864	0.10946547	2.20E-05	0.01459804	0.54912044	0.44387634	0.61620024	-0.56181051	0.34324313	0.16236617	0.00016575	0.46165575	0.10326616	8.00E-06
20	51342745	20.51342745	A	G	0.64026	NA	0.24956604	0.30184128	0.05598763	7.39E-06	0.23385294	-0.04031533	0.1295486	0.8403779	0.49395918	-0.13467688	0.13282918	0.3161954	-0.25454542	0.0567499	7.96E-06
5	171E-08	17.171E-08	A	G	0.37768	NA	0.02550943	0.745173282	0.13091066	0.02708266	0.09056863	0.43942211	0.25266387	0.0893378	0.06197959	0.831277673	0.23177186	0.0000216	0.15065769	0.976E-06	
2	108E-08	10.217979674	G	C	0.32187	NA	0.18786321	-0.46943046	0.10800374	2.20E-05	0.04092157	0.547953234	0.6948167	0.4352609	0.06217347	-0.5468820	0.33819775	0.11732354	-0.4546232	0.10179673	9.79E-06
5	78001483	5.78001483	G	T	0.64716	NA	0.1341533	-0.39567558	0.08339536	0.00031527	0.2502451	-0.34092693	0.1441329	0.0272055	0.05392857	-0.30602676	0.32469913	0.35193999	0.37004596	0.828E-06	
19	41367869	19.41367869	G	T	0.97378	NA	0.35929123	-0.22202314	0.0511719	0.73E-05	0.04061968	-0.21189595	0.11218959	0.06588995	0.6556124	0.030786084	0.16023925	0.84851578	-0.24005816	0.04507129	6.85E-06
5	78001157	5.78001157	G	T	0.49632	NA	0.11254009	-0.38294327	0.10230916	0.00036722	0.20844118	-0.39127137	0.1733746	0.02928258	0.04014286	-0.3806716	0.47519892	0.42789121	-0.38494708	0.0866499	8.86E-06
5	78001356	5.78001356	G	A	0.63487	NA	0.13255896	-0.30928307	0.0847098	0.00033221	0.24712745	-0.34623235	0.1461213	0.02248762	0.05307143	0.02482757	0.33212594	0.32790363	-0.1782751	0.017564	8.95E-06
3	172E-08	17.172E-08	A	A	0.61856	NA	0.33406604	0.25642226	0.06362884	7.89E-05	0.33936275	0.029614431	0.1629547	0.85666565	0.24420408	0.35636631	0.14825696	0.02095509	0.23423895	0.05305555	9.02E-06
6	139E-08	13.913717376	A	G	0.98562	Genotyped	0.46426179	1.170549576	0.04178999	6.44E-05	0.46466667	0.189311172	0.09988545	0.06488166	0.7347551	0.056012167	0.12983983	0.66799824	0.163847546	0.03695584	9.27E-06
20	51343270	20.51343270	A	G	0.64238	NA	0.2499316	-0.2988761	0.06561794	9.06E-06	0.22968277	-0.05131729	0.214901	0.81242591	0.49543878	-0.13401181	0.13290203	0.3194834	-0.2515239	0.05674877	9.31E-06
6	70999533	6.70999533	T	C	0.86252	NA	0.14980896	-0.19477971	0.06514722	0.00313623	0.04320588	-0.0800913	0.2816457	0.77774704	0.27068367	-0.15022052	0.12847023	0.00028971	-0.25198395	0.0590519	9.52E-06
5	31874114	5.31874114	G	T	0.83995	NA	0.0190968	0.161232632	0.20332905	0.4287239	0.0140337	-0.1321790	0.56502094	0.3817361	0.14683673	0.38885658	0.1303847	1.28E-05	0.476716295	0.1074289	9.66E-06
5	171E-08	17.171E-08	A	C	0.45842	NA	0.02242453	0.61837782	0.2845339	0.3380108	0.04041961	0.14897486	0.23506	0.08335336	0.06033673	0.81261053	0.22388126	0.00079641	0.62298368	0.14085437	9.74E-06
19	41362898	19.41362898	T	C	0.86244	NA	0.28373113	-0.23277886	0.054373645	3.02E-05	0.210123529	-0.15282585	0.1201125	0.21024674	0.3630102	-0.12484161	0.048088367	0.49406688	-0.1219317	0.04008165	9.74E-06
6	139E-08	13.9136197634	A	A	0.48745	NA	0.52771934	0.23396287	0.05970683	0.00012632	0.49672529	0.31966677	0.14226204	0.02980614	0.71843878	0.04333882	0.18795585	0.65607679	0.23583167	0.05283593	9.85E-06
10	63155127	10.63155127	C	T	0.5255	NA	0.04146698	-0.37950638	0.17315772	0.02954013	0.05648039	-0.25541082	0.32359059	0.43436865	0.20437755	-0.0833699	0.16942557	0.0024039	-0.50043187	0.11341778	1.02E-05
6	41537318	8.41537318	G	A	0.60572	NA	0.23164623	-0.24929369	0.06792388	0.00030778	0.18441176	-0.0946652	0.2010301	0.64014839	0.19726531	-0.35467701	0.0640839	0.01193908	-0.25898071	0.05806022	1.04E-05
6	7100247	6.7100247	T	C	0.85705	NA	0.15167217	-0.39387613	0.06519062	0.00329705	0.03439216	-0.06832372	0.2815813	0.76921316	0.27146939	-0.50864145	0.12861072	0.00030473	-0.25108047	0.0590506	1.04E-05
10	63153785	8.41537318	A	G	0.60572	NA	0.23164623	-0.24929369	0.06792388	0.00030778	0.18441176	-0.0946652	0.2010301	0.64014839	0.19726531	-0.35467701	0.0640839	0.01193908	-0.25898071	0.05806022	1.04E-05
20	7821516	5.7821516	G	T	0.75604	NA	0.01401415	0.035637324	0.2874499	0.01658112	0.1431862	-0.29561781	0.17200167	0.09303462	0.18373747	-0.6059223	0.121878	84E-05	-0.3007987	0.09792432	1.09E-05
6	139E-08	13.9136197634	A	C	0.72734	NA	0.52183962	0.19100456	0.04876532	0.00012254	0.19420376	0.240830646	0.11490476	0.04221651	0.75872401	0.082260336	0.02916302	0.60941916	-0.18009245	0.04321794	1.09E-05
6	139E-08	13.9136197634	ATT	A	0.82394	NA	0.4958962	0.18508956	0.04575052	7.41E-05	0.45043137	0.216285759	0.11094316	0.05793158	0.71010204	0.048797827	0.13490159	0.72989895	-0.17790745	0.04049766	1.12E-05
6	139E-08	13.91371286	T	T	0.75971	NA	0.50307374	0.189713214	0.04777818	9.95E-05	0.47469608	0.228159012	0.1181571	0.04773346	0.74066327	0.062313161	0.05304118	0.68675307	0.185534136	0.04224037	1.12E-05
3	38126167	3.8126167	G	T	0.78031	NA	0.07799057	0.340259438	0.09789507	0.00062288	0.08999196	0.48246503	0.1901279	0.2301857	0.3035714	0.694714315	0.4472079	0.12820408	0.375074282	0.08453264	1.14E-05
9	35942140	9.35942140	G	T	0.97221	NA	0.25357783	0.203460513	0.05282278	0.00014701	0.10545098	0.44778827	0.20524889	0.09727561	0.02188308	0.20270759	0.28119691	0.216790336	0.04940718	0.0394738	1.18E-05
10	1335	1.335E-08	A	C	0.25906	NA	0.13357906	0.26108216	0.05891567	0.00012632	0.49672529	0.31966677	0.14226204	0.02980614	0.71843878	0.04333882	0.18795585	0.65607679	0.23583167	0.05283593	9.85E-06
2	32867613	3.25676713	G	A	0.37307	NA	0.36903606	-0.27958618	0.08059887	0.0003814	0.57904982	-0.26348412	0.38435513	0.4970267	0.7562004	-0.3971858	0.14788018	0.04008028	-0.21959009	0.04942913	1.24E-05
6	139E-08	13.9136197634	G	A	0.75162	NA	0.42765802	0.19320716	0.047496625	7.90E-05	0.40440078	0.234421783	0.1131138	0.05218609	0.69914286	0.0458797	0.14548151	0.73556641	-0.18009245	0.04321794	1.09E-05
19	41371763	19.41371763	T	A	0.52521	NA	0.01534906	-1.00197792	0.27730795	0.00038127	0.39887255	-0.10855632	0.65758080	0.079902	0.08013265	-0.4884784	0.20600703	0.02371215	-0.6958008	0.15876621	1.18E-05
6	171E-08	17.171E-08	A	G	0.5276	NA	0.23638195	0.29650686	0.07466194	9.99E-05	0.27710075	0.169672681	0.05451082	0.17115858	0.17626531	0.356550514	0.19127862	0.0696677	0.30173355	0.06877903	1.18E-05
20	52348097	20.52348097	G	A	0.93055	NA	0.64307311	0.197209155	0.0487984	7.54E-05	0.60842157	0.17667409	0.11508619	0.31225537	0.546	0.19555205	0.05058348	0.3650805	0.81121649	0.04139376	1.18E-05
6	41371964	9.41371964	G	A	0.55561	NA	0.0515013	-1.00197792	0.27730795	0.00038127	0.39887255	-0.10855632	0.65758080	0.079902	0.08013265	-0.4884784	0.20600703	0.02371215	-0.6958008	0.15876621	1.18E-05
2	85704082	2.85704082	A	C	0.41615	NA	0.25708008	0.26108216	0.05891567	0.00012632	0.49672529	0.31966677	0.14226204	0.02980614	0.71843878	0.04333882	0.18795585	0.65607679	0.23583167	0.05283593	9.85E-06
4	41533200	8.41533200	G	A	0.76447	NA	0.27086085	-0.21036052	0.0564899	0.00045493	0.20983333	-0.07951603	0.1754679	0.65276207	0.2184286	-0.35882683	0.12075592	0.00663528	-0.21959009	0.04942913	1.24E-05
9	35941789	9.35941789	A	C	0.9517	NA	0.24960163	0.207041389	0.05533362	0.00014805	0.10287255	0.10629353	0.12609523	0.068913265	0.20866412	0.20737594	0.32073607	0.1912791	0.05035878	0.127E-05	1.25E-05
8	41533514	8.41533514	G	A	0.76362	NA	0.2702755	-0.20151427	0.05657366	0.00045861	0.20898309	-0.08042927	0.17580594	0.64967571	0.21693877	-0.35786705	0.12584296	0.00699224	-0.21611718	0.04951028	1

13	75211586	13:75211586	T	C	0.32833	0.25327123	0.34782974	0.09174162	0.00019751	0.24960760	0.16729294	0.24245838	0.49939805	0.14695918	0.65253688	0.29145247	0.03079132	0.351326078	0.0823116	1.97E-05	
3	172E-08	3:172316569	G	A	0.63091	0.33150943	0.24766463	0.06308024	0.00011819	0.34613725	0.031437581	0.16274083	0.84775249	0.2277551	0.306567496	0.14328173	0.03853969	0.231988242	0.05441054	2.01E-05	
6	139E-08	6:139168529	A	C	0.65654	0.50113132	0.200527301	0.05188776	0.00014968	0.45039196	0.253836276	0.12049788	0.42783846	0.17686735	0.037972507	0.16265599	0.81660309	0.195217078	0.04478854	2.01E-05	
20	53144591	20:53144591	C	T	0.65605	0.25113487	0.28300602	0.06543899	2.9E-05	0.21139216	0.08314658	0.0930396	0.50078571	0.13090544	0.238358	0.3303185	0.24092702	0.0565262	0.02E-05		
17	36030219	17:36030219	A	G	0.32738	0.09045	0.50213216	0.15157332	0.0003986	0.1062745	0.7042389	0.1477911	0.11846656	0.4382509	0.7883648	0.5285408	0.2240184	0.202E-05			
9	35949270	9:35949270	A	G	0.84217	0.24350472	0.22182085	0.05831202	0.00019544	0.09769608	0.466152527	0.2280266	0.4072673	0.08129592	0.190132726	0.22574205	0.40465226	0.23594511	0.054814	2.03E-05	
9	35948775	9:35948775	G	A	0.85303	0.24542453	0.21920795	0.07574856	0.00019419	0.09586683	0.459917724	0.28253705	0.04759945	0.08179592	0.186897524	0.23259896	0.4081983	0.23126162	0.05426865	2.03E-05	
10	41383556	10:41383556	C	T	0.98824	GenotypeD	0.0530684	0.37684962	0.10364221	0.00035092	0.23107843	0.19591362	0.1356321	0.15603211	0.10204082	0.33314973	0.16628182	0.05255598	0.31664429	0.07384397	2.03E-05
10	63165574	10:63165574	C	T	0.78255	NA	0.04315059	0.30320777	0.03887396	0.03016448	0.07422549	0.17291201	0.23252379	0.44351569	0.2779592	0.48476248	0.1264984	0.05004527	0.34796433	0.08638381	2.05E-05
12	49556906	12:49556906	G	C	0.71201	NA	0.36082075	0.134579623	0.05776071	0.02709128	0.3666764	0.201893345	0.12955382	0.12664786	0.4624429	0.067755848	0.0962703	0.05004532	0.197013646	0.042624	2.06E-05
12	85959884	12:85959884	T	C	0.99544	GenotypeD	0.08469911	0.19640049	0.08397297	0.02031294	0.38064706	0.35850941	0.10833961	0.09194971	0.33662655	0.21970918	0.12236413	0.0806278	0.24043455	0.0583415	2.06E-05
10	35505925	10:35505925	C	T	0.48446	NA	0.10457783	0.62586023	0.00864221	0.00035062	0.03302743	0.18695708	0.33640987	0.00102775	0.02787571	0.13097869	0.37281705	0.72719094	0.3906408	0.2240184	2.06E-05
10	36505827	10:36505827	C	T	0.48634	NA	0.10441308	0.3584057	0.08505111	0.00035	0.0308824	0.18483271	0.35372721	0.00102917	0.07304082	0.13078936	0.37048205	0.72925254	0.3900581	0.0916228	2.08E-05
20	52347885	20:52347885	T	A	0.91485	NA	0.65091274	0.19639625	0.04292665	0.0445	0.65136275	0.150024572	0.11660167	0.20526609	0.56076311	0.112806112	0.2952019	0.2921019	0.17435251	0.0417821	2.08E-05
4	1.1E-08	4:109772273	C	G	0.32854	NA	0.05591038	0.50999862	0.17018927	0.00062984	0.06617647	0.30865305	0.39066863	0.43392888	0.11058163	0.75406619	0.30242658	0.01689784	0.58969659	0.13866033	2.11E-05
9	35946275	9:35946275	G	A	0.91873	NA	0.25689349	0.20739655	0.05454023	0.00018933	0.13089216	0.426809027	0.11083333	0.04892857	0.164094929	0.21060945	0.44048081	0.21779897	0.05121697	2.12E-05	
10	63169896	10:63169896	T	C	0.84246	NA	0.04262736	0.2905456	0.13365043	0.0308679	0.16527665	0.21506603	0.46494665	0.28253061	0.4638993	0.15125825	0.00045919	0.35286079	0.08295619	2.12E-05	
6	1.71E-08	6:157075289	T	G	0.45352	NA	0.04505896	0.51522628	0.21425768	0.01702055	0.13045098	0.34284175	0.19416891	0.0846136	0.09605102	0.56397139	0.1794693	0.03015082	0.47724285	0.11225715	2.12E-05
10	63169148	10:63169148	C	T	0.83673	NA	0.05251223	0.20217196	0.13427897	0.00397794	0.07456471	0.1660806	0.2169568	0.4656884	0.2810527	0.46676645	0.12220203	0.00045664	0.35451725	0.08309138	2.16E-05
19	1710585	19:1710585	A	TA	0.41035	NA	0.29150472	0.27603693	0.07984377	0.0066477	0.18620588	0.214693572	0.2447492	0.38339	0.2092575	0.447830714	0.17936165	0.01674862	0.29712619	0.0690477	2.13E-05
13	75211204	13:75211204	TA	A	0.31391	NA	0.23421226	0.36941698	0.06755002	0.00017862	0.32091961	0.17057746	0.24743537	0.4943743	0.13447959	0.68070521	0.31600691	0.0375891	0.17435251	0.0668867	2.14E-05
12	1.14E-08	12:11402845	G	A	0.30832	NA	0.03297555	0.29275559	0.23162166	8.42E-05	0.01241176	0.40967369	0.14838708	0.02178571	0.76519451	0.22140081	0.29521257	0.93245278	0.1987969	2.15E-05	
9	35948251	9:35948251	AT	C	0.86031	NA	0.24870991	0.21653977	0.05712732	0.0001982	0.10218627	0.45122944	0.2232082	0.0830102	0.18711311	0.7202665	0.15451841	0.2802673	0.05368464	2.16E-05	
20	5486350	20:5486350	G	C	0.7134	NA	0.17483019	0.14525907	0.05840648	0.01473105	0.8919902	0.14766902	0.1503604	0.49065063	0.01413265	0.305092	0.14037805	0.1974085	0.04982785	2.18E-05	
1	7873570	1:7873570	G	A	0.34898	NA	0.01159906	0.4175443	0.15803628	0.02120234	0.10014678	1.40774933	4.9622191	0.7780391	0.06513627	0.50427442	0.2935439	6.82E-05	0.10842306	0.2505746	2.20E-05
9	35949286	9:35949286	A	G	0.83952	NA	0.25940794	0.21139216	0.0001982	0.084046	0.34865219	0.16791353	0.0939285	0.15188332	0.21846661	0.093958	0.0001212	0.0001212	0.0001212	0.0001212	2.20E-05
9	35949286	9:35949286	A	G	0.84277	NA	0.24324764	0.221518592	0.05837334	0.00019499	0.09578824	0.46670381	0.22825357	0.04718994	0.07975551	0.16979572	0.0631267	0.45607763	0.23222113	0.05485616	2.23E-05
9	35949775	9:35949775	C	T	0.83206	NA	0.24313610	0.22366487	0.05894997	0.00019547	0.07421805	0.14721084	0.2310447	0.07873266	0.07871429	0.172670059	0.22875176	0.45241946	0.23405154	0.0545006	2.23E-05
9	35948867	9:35948867	T	G	0.85254	NA	0.2496462	0.21965968	0.05786603	0.00019364	0.09839216	0.46113919	0.2529283	0.04755941	0.07970408	0.16691317	0.22368011	0.459741	0.23052444	0.05436572	2.23E-05
9	35949202	9:35949202	T	G	0.84493	NA	0.24362028	0.22109113	0.05825908	0.00019489	0.09776471	0.465594445	0.2275679	0.04723018	0.07937755	0.169113072	0.22516771	0.45701628	0.23245297	0.05474801	2.23E-05
9	35949312	9:35949312	A	G	0.84169	NA	0.24350891	0.221704708	0.05842924	0.00019529	0.0975	0.467087782	0.2285034	0.0724277	0.07921429	0.170038469	0.22697133	0.4580484	0.23281780	0.05490854	2.23E-05
9	35949555	9:35949555	A	G	0.8374	NA	0.24288774	0.22254253	0.0586304	0.00019878	0.09137275	0.46938615	0.2957786	0.04720168	0.07897959	0.17147478	0.22691178	0.4538199	0.232758106	0.05513044	2.23E-05
9	35949555	9:35949555	A	G	0.83952	NA	0.25940794	0.21139216	0.0001982	0.084046	0.34865219	0.16791353	0.0939285	0.15188332	0.21846661	0.093958	0.0001212	0.0001212	0.0001212	0.0001212	2.23E-05
9	35949555	9:35949555	A	G	0.84277	NA	0.24324764	0.221518592	0.05837334	0.00019499	0.09578824	0.46670381	0.22825357	0.04718994	0.07975551	0.16979572	0.0631267	0.45607763	0.23222113	0.05485616	2.23E-05
19	1702768	19:1702768	T	G	0.49096	NA	0.25665802	0.251368005	0.05894997	0.00019547	0.07421805	0.14721084	0.2310447	0.07873266	0.07871429	0.172670059	0.22875176	0.45241946	0.23405154	0.0545006	2.23E-05
9	35949346	9:35949346	T	G	0.84042	NA	0.242875	0.22186678	0.05849262	0.00019605	0.09743137	0.467573912	0.2287902	0.04729026	0.07920408	0.170073962	0.22680692	0.45629004	0.23006655	0.04969922	2.25E-05
9	35949346	9:35949346	T	G	0.83198	NA	0.09580189	0.45380775	0.12814329	0.00049364	0.07558824	0.46357257	0.23079664	0.03077865	0.0430102	0.35205975	0.15662954	0.0956232	0.05405446	0.1066549	2.25E-05
6	1.39E-08	6:139172619	CT	C	0.37329	NA	0.2635283	0.27971196	0.08043659	0.00061915	0.17204902	0.25888228	0.40551512	0.09858714	0.4694991	0.2794118	0.10087325	0.31488807	0.07403939	2.26E-05	
6	1.24E-08	6:12397491	T	A	0.63425	NA	0.0205684	0.71641865	0.18738367	0.00017451	0.0114902	0.20365104	1.84745074	0.1935674	0.09623999	0.5442883	0.0808817	0.31766004	0.1763299	2.26E-05	
9	35949594	9:35949594	A	G	0.83952	NA	0.25940794	0.21139216	0.0001982	0.084046	0.34865219	0.16791353	0.0939285	0.15188332	0.21846661	0.093958	0.0001212	0.0001212	0.0001212	0.0001212	2.26E-05
9	35949286	9:35949286	A	G	0.84277	NA	0.24324764	0.221518592	0.05837334	0.00019499	0.09578824	0.46670381	0.22825357	0.04718994	0.07975551	0.16979572	0.0631267	0.45607763	0.23222113	0.05485616	2.23E-05
9	35949775	9:35949775	C	T	0.83206	NA	0.24313610	0.22366487	0.05894997	0.00019547	0.07421805	0.14721084	0.2310447	0.07873266	0.07871429	0.172670059	0.22875176	0.45241946	0.23405154	0.0545006	2.23E-05
9	35948867	9:35948867	T	G	0.85254	NA	0.2496462	0.21965968	0.05786603	0.00019364	0.09839216	0.46113919	0.2529283	0.04755941	0.07970408	0.16691317	0.22368011	0.459741	0.23052444	0.05436572	2.23E-05
9	35949202	9:35949202	T	G	0.84493	NA	0.24362028	0.22109113	0.05825908	0.00019489	0.09776471	0.465594									

12	1.3e-08	12:129796621	T	G	0.97777	NA	0.13111792	-0.256397	0.06579863	0.0001324	0.42344118	-0.1639532	0.10349046	0.12664204	0.41918367	-0.11356523	0.12665775	0.37528082	-0.21104983	0.05085391	3.32e-05
15	65682721	15:65682721	C	T	0.34156	NA	0.01141745	1.064395339	0.70036577	0.1301246	0.01218627	-2.76262939	2.92015797	0.34953199	0.07767347	0.939024637	0.23734579	0.0003032	0.930058083	0.22412551	3.33e-05
3	1.72e-08	3:172348021	A	A	0.42468	NA	0.51179953	0.250520841	0.70401868	0.0086368	0.480480399	0.15851022	0.16716542	0.34843997	0.5040241	0.392317833	0.16125257	0.01952261	0.25892921	0.06245059	3.34e-05
20	53149411	20:53149411	C	A	0.66632	NA	0.25239387	-0.7320264	0.06528527	4.25e-05	0.20558824	-0.0970444	0.2605612	0.64052722	0.50438776	-0.1275568	0.13626236	0.24376623	-0.23377671	0.05634585	3.34e-05
12	1.3e-08	12:129795862	G	T	0.99896	Genotyped	0.12977878	-0.23638126	0.05518811	0.0001305	0.42339216	-0.1621364	0.1027461	0.3203663	0.4142551	-0.1133421	0.12521157	0.3709376	-0.20882322	0.0533602	3.34e-05
12	1.3e-08	12:129796484	A	G	0.98186	NA	0.13091981	-0.25570287	0.06566521	0.0001333	0.4235	-0.16361285	0.10328569	0.12067722	0.4190361	-0.11336298	0.1263524	0.37498235	-0.21054379	0.05074825	3.34e-05
1	2.27e-08	1:22704672	C	G	0.40649	NA	0.64141038	0.29683267	0.07864226	0.00015069	0.171591176	0.398265301	0.2058261	0.05974844	0.62904082	0.045564418	0.22019739	0.83764283	0.28392954	0.06844686	3.35e-05
4	1.26e-08	4:12585347	C	C	0.57705	NA	0.90729453	0.360172865	0.09861673	0.00033081	0.82759804	0.08496778	0.16927301	0.61203397	0.82869388	0.577004473	0.2171244	0.01125429	0.32902182	0.07932086	3.35e-05
12	1.3e-08	12:129792066	A	C	0.85936	NA	0.13305896	-0.26589023	0.06943226	0.00017107	0.41042157	-0.17905803	0.1178246	0.11668575	0.38135714	-0.13341429	0.1148512	0.35136402	-0.25885189	0.04543974	3.39e-05
19	3180331	19:3180331	T	A	0.3137	NA	0.22898821	0.416289905	0.09062942	7.65e-06	0.37506883	0.0058814	0.2873103	0.98376484	0.29270408	0.071649435	0.1883663	0.7064288	0.3256039	0.0785851	3.39e-05
19	4316556	19:4316556	T	A	0.99514	Genotyped	0.23735142	0.21205705	0.05518964	0.00016297	0.4049	0.25718257	0.2400872	0.26740248	0.1008265	0.201273754	0.18516534	0.2642860	0.2313844	0.0517489	3.41e-05
7	6841991	7:6841991	T	A	0.85542	NA	0.35364858	-0.25127215	0.05253901	1.43e-06	0.38073451	0.007976385	0.1227008	0.9487689	0.58662004	0.052145907	0.12634439	0.68201195	-0.1812879	0.04382497	3.41e-05
19	4317545	19:4317545	T	A	0.52124	NA	0.41580896	-0.15324247	0.05517257	0.0165542	0.21527025	-0.39710083	0.13321831	0.60476596	0.46046939	-0.39459398	0.150323	0.01212424	-0.22592602	0.05451166	3.45e-05
20	52351209	20:52351209	A	G	0.93483	NA	0.56120991	0.205006758	0.0472756	2.24e-05	0.4682005	0.176425203	0.14111884	0.27217347	-0.05583149	0.11808669	0.6409531	0.17024974	0.04111308	0.3466	3.45e-05
3	21603317	3:21603317	AAC	A	0.64237	NA	0.50424292	0.219599182	0.05794195	0.00019856	0.58754902	0.162989883	0.16513473	0.32928891	0.762	0.27810143	0.19602657	0.16373384	0.21860439	0.05266398	3.46e-05
3	36508889	3:36508889	C	T	0.34582	NA	0.14789151	-0.33754711	0.10344261	0.00129281	0.07621569	-1.27206887	0.30191509	0.00013037	0.13770408	0.085800093	0.20805652	0.7493623	-0.38497778	0.02927529	3.46e-05
3	21602351	3:21602351	C	T	0.64153	NA	0.50433491	0.21968675	0.09798323	0.00019945	0.58741176	0.163128182	0.16521297	0.32911014	0.76188776	0.27835516	0.19610357	0.16325018	0.21168904	0.052699	3.47e-05
10	36508984	3:36508984	T	A	0.34508	NA	0.1481451	-0.33729667	0.10349139	0.00130994	0.0765	-1.27292567	0.30174129	0.00012825	0.13782653	0.086150324	0.2983651	0.17429358	-0.3850628	0.09301594	3.48e-05
10	36502025	10:36502025	T	A	0.47995	NA	0.1187783	-0.32489357	0.09663511	0.000484	0.38543317	-1.15335612	0.1913803	0.00078679	0.10637755	0.06773095	0.27744	0.80837947	-0.3631219	0.08774055	3.48e-05
12	1.3e-08	12:129804587	G	C	0.83247	NA	0.1386048	-0.2788578	0.07089687	0.00011488	0.41893137	-0.1753004	0.1111974	0.12235546	0.42322449	-0.11031386	0.14169315	0.44083186	-0.22800138	0.0507877	3.48e-05
19	41362791	19:41362791	C	CT	0.47148	NA	0.19195175	-0.29534172	0.14844555	0.00057792	0.20430317	-0.21824598	0.1823461	0.12805167	0.25058163	-0.59056699	0.26875289	0.0338414	-0.30494754	0.0736691	3.51e-05
9	1.08e-08	9:107632401	CAG	C	0.99169	NA	0.20503538	-0.23562304	0.0521116	1.55e-05	0.09807843	0.138091936	0.24049858	0.05403602	0.13588776	-0.1136187	0.1604945	0.4830943	-0.20282501	0.04904001	3.54e-05
10	36502048	10:36502048	CT	C	0.48178	NA	0.11850472	-0.34279025	0.09656861	0.0004792	0.03507843	-1.15308495	0.19354713	0.00081317	0.10609184	0.08601669	0.27709006	0.80711383	-0.3626847	0.08878874	3.54e-05
3	21602714	3:21602714	T	G	0.63695	NA	0.50471226	0.220155372	0.05821208	0.0002644	0.56883333	0.164059393	0.16549013	0.76112024	0.27930439	0.176110204	0.27930439	0.16642191	0.0528844	3.54e-05	
19	43771	19:43771	T	A	0.43771	NA	0.31664623	0.25981643	0.07404016	0.0000649	0.20697509	0.25099572	0.19451003	0.2529707	0.24502041	0.328443425	0.16423478	0.0524305	0.266732353	0.05451537	3.56e-05
10	3650125	10:3650125	G	A	0.50125	Genotyped	0.20642179	0.20299484	0.05202105	0.00012051	0.45681033	0.12692304	0.13526466	0.1562122	0.39779025	0.2282787	0.16287475	0.16287475	0.05202105	0.05202105	3.56e-05
20	52351608	20:52351608	C	A	0.9208	NA	0.55788915	0.206909611	0.04755924	2.31e-05	0.48287275	0.17610219	0.1180278	0.14292315	0.28688888	0.058131	0.12082122	0.63259177	-0.17127535	0.04143969	3.57e-05
6	1.39e-08	6:13975465	A	G	0.52045	NA	0.54159991	0.215224053	0.07518724	0.00021929	0.40647665	0.26560562	0.16403993	0.07513586	0.77037755	0.078134224	0.28314224	0.17121415	0.13273608	0.05162032	3.57e-05
2	85717355	2:85717355	T	C	0.55009	NA	0.06665566	0.381252161	0.13262241	0.00049431	0.08548039	0.452223771	0.30495158	0.14555688	0.12881633	0.052062283	0.1975762	0.10276673	0.42782073	0.1034260	3.59e-05
4	27788238	2:47788238	C	G	0.46848	NA	0.09318632	-0.47962357	0.10300343	0.348e-05	0.1749902	-0.15673663	0.24275957	0.52202093	0.05967347	-0.21975062	0.3020902	0.0417038	-0.40114131	0.09707595	3.59e-05
3	1.55e-08	3:15223349	C	C	0.35141	NA	0.21223349	-0.55590112	0.12401934	1.23e-05	0.08282353	-0.20822336	0.1773653	0.58832064	0.1772651	-0.1092404	0.21744638	0.11655577	-0.4274161	0.10347395	3.62e-05
3	75213672	13:75213672	T	A	0.39001	NA	0.302153	0.28542699	0.0790151	0.00038209	0.27554902	0.138971657	0.2393207	0.38319687	0.1807449	0.547912203	0.2394535	0.02742302	0.29885419	0.07114425	3.62e-05
3	21602460	3:21602460	T	A	0.9208	NA	0.55788915	0.206909611	0.04755924	2.31e-05	0.48287275	0.17610219	0.1180278	0.14292315	0.28688888	0.058131	0.12082122	0.63259177	-0.17127535	0.04143969	3.57e-05
20	52351608	20:52351608	C	A	0.9208	NA	0.55788915	0.206909611	0.04755924	2.31e-05	0.48287275	0.17610219	0.1180278	0.14292315	0.28688888	0.058131	0.12082122	0.63259177	-0.17127535	0.04143969	3.57e-05
6	1.39e-08	6:13975465	A	G	0.52045	NA	0.54159991	0.215224053	0.07518724	0.00021929	0.40647665	0.26560562	0.16403993	0.07513586	0.77037755	0.078134224	0.28314224	0.17121415	0.13273608	0.05162032	3.57e-05
2	85717355	2:85717355	T	C	0.55009	NA	0.06665566	0.381252161	0.13262241	0.00049431	0.08548039	0.452223771	0.30495158	0.14555688	0.12881633	0.052062283	0.1975762	0.10276673	0.42782073	0.1034260	3.59e-05
4	27788238	2:47788238	C	G	0.46848	NA	0.09318632	-0.47962357	0.10300343	0.348e-05	0.1749902	-0.15673663	0.24275957	0.52202093	0.05967347	-0.21975062	0.3020902	0.0417038	-0.40114131	0.09707595	3.59e-05
3	1.55e-08	3:15223349	C	C	0.35141	NA	0.21223349	-0.55590112	0.12401934	1.23e-05	0.08282353	-0.20822336	0.1773653	0.58832064	0.1772651	-0.1092404	0.21744638	0.11655577	-0.4274161	0.10347395	3.62e-05
3	75213672	13:75213672	T	A	0.39001	NA	0.302153	0.28542699	0.0790151	0.00038209	0.27554902	0.138971657	0.2393207	0.38319687	0.1807449	0.547912203	0.2394535	0.02742302	0.29885419	0.07114425	3.62e-05
3	21602460	3:21602460	T	A	0.9208	NA	0.55788915	0.206909611	0.04755924	2.31e-05	0.48287275	0.17610219	0.1180278	0.14292315	0.28688888	0.058131	0.12082122	0.63259177	-0.17127535	0.04143969	3.57e-05
20	52351608	20:52351608	C	A	0.9208	NA	0.55788915	0.206909611	0.04755924	2.31e-05	0.48287275	0.17610219	0.1180278	0.14292315	0.28688888	0.058131	0.12082122	0.63259177	-0.17127535	0.04143969	3.57e-05
6	1.39e-08	6:13975465	A	G	0.52045	NA	0.54159991	0.215224053	0.07518724	0.00021929	0.40647665	0.26560562	0.16403993	0.07513586	0.77037755	0.078134224	0.28314224	0.17121415	0.13273608	0.05162032	3.57e-05
2	85717355	2:85717355	T	C	0.55009	NA	0.06665566	0.381252161	0.13262241	0.00049431	0.08548039	0.452223771	0.30495158	0.14555688	0.12881633	0.052062283	0.1975762	0.10276673	0.42782073	0.1034260	