

Pearson's r

	P. goldsteini/ASF519 (2)	Alistipes finegoldii (5)	Barnesiella sp. (16)	Escherischia (17)	Barnesiella sp. (23)	Unc. Porphyromonadaceae (37)	Barnesiella sp. (41)	Barnesiella sp. (44)	Lactobacillus johnsonii (54)	Clostridium XIVa sp. (71)	Barnesiella sp. (73)	Lactobacillus sp. (74)	Unc. Porphyromonadaceae (88)	Barnesiella sp. (133)	Parasutterella excrementihominis (T) (247)	Unclass. Lachnospiraceae (302)	Enterorhabdus caecimuris (321)	Enterorhabdus mucosicola (355)	Unc. Porphyromonadaceae (680)
occludin	-0,29	-0,33	0,19	-0,56	0,38	0,34	0,43	0,44	0,25	0,19	0,16	0,34	0,28	0,47	0,07	0,36	0,08	0,19	0,40
ZO1	-0,33	-0,18	0,27	-0,42	0,36	0,35	0,36	0,27	0,24	0,22	0,24	0,24	0,61	0,34	0,15	0,20	0,19	0,13	0,37
Muc2	-0,46	-0,33	0,28	-0,62	0,43	0,41	0,43	0,43	0,24	0,29	0,22	0,33	0,40	0,45	0,13	0,29	0,21	0,22	0,44
proglucagon	0,06	0,08	-0,24	0,07	-0,14	-0,08	-0,08	-0,13	-0,20	0,33	-0,37	-0,11	0,11	-0,11	-0,17	-0,11	-0,28	-0,23	-0,03
TCF4	-0,37	-0,20	0,35	-0,57	0,48	0,48	0,47	0,48	0,42	0,20	0,34	0,29	0,37	0,52	0,36	0,17	0,46	0,40	0,42
lysosyme	-0,49	-0,46	0,30	-0,38	0,52	0,45	0,35	0,38	0,28	0,22	0,13	0,32	0,37	0,40	0,17	0,37	-0,05	0,15	0,51
adef	-0,35	-0,35	0,15	-0,31	0,27	0,19	0,15	0,15	0,05	0,13	0,02	0,08	0,27	0,18	-0,05	0,20	-0,19	-0,03	0,24
Reg3g	-0,59	-0,49	0,70	-0,68	0,70	0,68	0,69	0,68	0,62	-0,03	0,50	0,70	0,29	0,72	0,12	0,61	0,28	0,57	0,69
PLA2	-0,55	-0,58	0,36	-0,43	0,55	0,53	0,42	0,33	0,27	0,24	0,22	0,30	0,47	0,48	0,34	0,27	0,13	0,14	0,55
IL6	0,04	0,28	-0,41	0,16	-0,43	-0,34	-0,34	-0,44	-0,41	0,15	-0,48	-0,36	-0,38	-0,38	-0,20	-0,38	-0,20	-0,11	-0,37
TNFa	-0,13	0,32	0,18	-0,21	0,25	0,29	0,28	0,13	0,18	0,30	0,25	0,17	0,32	0,10	0,06	-0,10	0,10	0,36	0,22
IFNg	-0,50	-0,28	0,40	-0,47	0,44	0,43	0,51	0,45	0,48	0,00	0,50	0,51	0,33	0,41	0,20	0,35	0,42	0,43	0,40
IL1b	-0,44	-0,24	0,39	-0,46	0,72	0,60	0,53	0,46	0,71	0,13	0,43	0,55	0,31	0,57	0,54	0,13	0,22	0,51	0,50
CD11b	-0,51	-0,32	0,56	-0,60	0,68	0,68	0,68	0,63	0,72	0,05	0,63	0,52	0,49	0,68	0,49	0,44	0,63	0,64	0,60
F4.80	-0,24	0,07	-0,03	-0,23	-0,06	0,08	0,01	0,06	-0,15	0,61	-0,08	-0,14	0,18	-0,03	0,15	-0,11	0,30	0,01	0,08
CD68	-0,28	0,19	-0,17	-0,11	-0,03	0,02	0,00	0,13	0,04	0,49	-0,15	0,01	0,16	0,00	0,04	0,05	0,33	0,31	0,01
CD11c	-0,67	-0,43	0,36	-0,59	0,64	0,61	0,60	0,76	0,56	0,27	0,15	0,61	0,16	0,70	0,11	0,57	0,27	0,58	0,66
CD3g	-0,51	-0,32	0,56	-0,60	0,68	0,68	0,68	0,63	0,72	0,05	0,63	0,52	0,49	0,68	0,49	0,44	0,63	0,64	0,60
IL17A	-0,57	-0,43	0,60	-0,65	0,68	0,53	0,52	0,61	0,69	-0,18	0,68	0,45	0,34	0,56	0,22	0,46	0,48	0,43	0,42
Tbet	-0,41	-0,22	0,34	-0,42	0,52	0,55	0,56	0,45	0,55	0,18	0,54	0,42	0,43	0,51	0,61	0,24	0,68	0,57	0,47
Foxp3	-0,32	-0,04	0,11	-0,38	0,32	0,27	0,33	0,08	0,27	0,08	0,16	0,23	0,07	0,21	0,24	-0,21	0,04	0,37	0,16
IL10	-0,52	-0,27	0,40	-0,65	0,52	0,50	0,61	0,46	0,52	0,01	0,47	0,42	0,21	0,52	0,30	0,26	0,40	0,57	0,41
Ebi3	0,06	0,23	-0,17	-0,03	-0,07	0,06	0,04	-0,20	-0,20	0,32	-0,22	-0,17	0,09	-0,03	0,17	-0,34	0,07	0,06	0,00

Adjusted p-values

	P. goldsteini/ASF519 (2)	Alistipes finegoldii (5)	Barnesiella sp. (16)	Escherischia (17)	Barnesiella sp. (23)	Unc. Porphyromonadaceae (37)	Barnesiella sp. (41)	Barnesiella sp. (44)	Lactobacillus johnsonii (54)	Clostridium XIVa sp. (71)	Barnesiella sp. (73)	Lactobacillus sp. (74)	Unc. Porphyromonadaceae (88)	Barnesiella sp. (133)	Parasutterella excrementihominis (T) (247)	Unclass. Lachnospiraceae (302)	Enterorhabdus caecimuris (321)	Enterorhabdus mucosicola (355)	Unc. Porphyromonadaceae (680)
occludin	0,40	0,33	0,61	0,06	0,24	0,32	0,17	0,16	0,48	0,61	0,69	0,32	0,42	0,12	0,88	0,28	0,85	0,60	0,21
ZO1	0,33	0,64	0,44	0,18	0,29	0,29	0,28	0,45	0,51	0,56	0,50	0,52	0,03	0,31	0,70	0,58	0,62	0,75	0,26
Muc2	0,13	0,33	0,42	0,03	0,18	0,19	0,17	0,17	0,51	0,40	0,55	0,34	0,20	0,15	0,76	0,41	0,56	0,55	0,16
proglucagon	0,88	0,85	0,50	0,87	0,72	0,85	0,86	0,75	0,59	0,34	0,26	0,80	0,80	0,78	0,66	0,79	0,42	0,54	0,95
TCF4	0,26	0,58	0,31	0,05	0,12	0,11	0,12	0,11	0,18	0,60	0,32	0,42	0,27	0,08	0,27	0,65	0,13	0,21	0,18
lysosyme	0,10	0,13	0,39	0,25	0,08	0,14	0,29	0,24	0,43	0,55	0,75	0,35	0,26	0,20	0,67	0,26	0,91	0,70	0,09
adef	0,29	0,30	0,71	0,36	0,45	0,60	0,70	0,70	0,92	0,75	0,97	0,86	0,43	0,63	0,91	0,59	0,62	0,95	0,50
Reg3g	0,04	0,10	0,01	0,01	0,01	0,01	0,01	0,01	0,03	0,95	0,09	0,01	0,41	0,01	0,77	0,03	0,42	0,05	0,01
PLA2	0,06	0,05	0,29	0,17	0,06	0,08	0,18	0,33	0,44	0,51	0,55	0,38	0,12	0,11	0,32	0,45	0,75	0,74	0,06
IL6	0,94	0,43	0,20	0,69	0,18	0,33	0,33	0,17	0,20	0,71	0,12	0,29	0,26	0,26	0,60	0,26	0,61	0,79	0,27
TNFa	0,76	0,35	0,64	0,57	0,48	0,42	0,43	0,75	0,66	0,39	0,50	0,68	0,37	0,80	0,89	0,81	0,82	0,29	0,55
IFNg	0,09	0,42	0,20	0,12	0,16	0,17	0,08	0,14	0,11	1,00	0,09	0,09	0,34	0,18	0,58	0,30	0,18	0,17	0,20
IL1b	0,16	0,50	0,21	0,13	0,01	0,04	0,08	0,13	0,01	0,75	0,17	0,06	0,36	0,05	0,07	0,76	0,55	0,09	0,10
CD11b	0,09	0,35	0,05	0,04	0,01	0,01	0,01	0,03	0,01	0,90	0,02	0,08	0,10	0,01	0,10	0,16	0,02	0,02	0,04
F4.80	0,53	0,88	0,95	0,55	0,88	0,86	0,98	0,89	0,72	0,04	0,86	0,75	0,64	0,95	0,70	0,80	0,41	0,98	0,86
CD68	0,43	0,63	0,67	0,79	0,95	0,96	1,00	0,76	0,94	0,12	0,71	0,99	0,70	1,00	0,94	0,91	0,34	0,37	0,98
CD11c	0,02	0,18	0,29	0,05	0,03	0,04	0,04	0,01	0,06	0,46	0,71	0,04	0,69	0,01	0,79	0,05	0,46	0,05	0,02
CD3g	0,09	0,35	0,05	0,04	0,01	0,01	0,01	0,03	0,01	0,90	0,02	0,08	0,10	0,01	0,10	0,16	0,02	0,02	0,04
IL17A	0,06	0,18	0,04	0,02	0,01	0,08	0,08	0,04	0,01	0,64	0,01	0,16	0,32	0,06	0,55	0,14	0,12	0,18	0,18
Tbet	0,19	0,55	0,32	0,18	0,08	0,06	0,05	0,15	0,06	0,64	0,07	0,18	0,17	0,08	0,03	0,51	0,01	0,05	0,12
Foxp3	0,37	0,94	0,80	0,26	0,35	0,45	0,35	0,85	0,46	0,85	0,69	0,55	0,86	0,57	0,51	0,57	0,94	0,28	0,69
IL10	0,08	0,44	0,20	0,02	0,08	0,10	0,04	0,13	0,08	0,99	0,12	0,18	0,56	0,08	0,39	0,46	0,20	0,05	0,20
Ebi3	0,90	0,54	0,68	0,95	0,86	0,88	0,94	0,59	0,61	0,37	0,57	0,66	0,82	0,95	0,66	0,32	0,86	0,89	0,99