

Table S1: Microarray data of the top 100 differentially regulated genes (blue down; red up)

gene_name	Cont 1	Cont 2	Cont 3	Exp 1	Exp 2	Exp 3
Clu /// LO	12.09	12.87	12.78	5.07	7.50	7.30
ligp1	6.41	13.53	13.57	5.65	5.54	6.15
Ddx3y	10.48	9.95	10.10	2.41	2.21	10.17
Tgtp /// T	6.10	13.59	13.65	6.23	6.61	6.80
Eif2s3y	9.38	9.63	9.64	2.87	3.06	9.32
Igtp	7.23	13.62	13.62	6.86	7.96	7.40
Iapp	10.49	9.99	9.25	4.05	5.39	8.29
Dsp	8.22	7.95	7.96	3.80	4.88	4.16
Emcn	6.82	9.40	9.46	3.61	6.83	4.22
Ifi44	4.38	9.83	9.55	3.74	4.34	5.05
B130021B11	11.27	10.05	9.97	3.60	8.89	8.66
Il11	9.01	10.71	10.60	4.62	7.63	7.96
Spint2	8.25	9.20	9.05	5.43	5.50	5.57
Il33	7.03	8.83	9.00	3.57	5.76	5.81
Arg1	11.52	11.29	11.24	3.49	8.81	12.11
Gsn	11.35	12.13	12.05	11.14	11.47	3.39
Chgb	9.31	8.81	8.18	4.79	5.31	6.88
Cldn4	8.33	8.39	8.45	5.15	5.28	5.48
Irgm2	6.09	11.27	11.25	5.97	6.72	6.74
Cxcl10	4.80	10.23	10.10	6.25	5.01	4.79
Pcsk5	8.60	9.36	9.31	4.69	6.77	6.79
Cxcl14	10.01	10.29	10.19	3.52	8.77	9.21
Car8	5.20	8.11	8.21	4.31	5.25	3.06
Aldh1a3	9.21	9.39	9.39	4.56	8.32	6.36
Apoe	11.91	11.19	11.23	5.26	8.55	11.99
Ccl6	12.55	12.75	12.81	3.68	12.81	13.10
Ifit3	6.16	9.81	9.48	5.89	5.39	5.65
Uty	7.41	7.27	7.43	3.01	3.20	7.46
AA467197	5.20	10.93	11.05	4.10	8.05	6.66
Spon1	8.73	8.08	8.03	4.15	5.88	6.47
Heph	8.03	8.40	8.47	3.67	5.96	6.95
Ctss	12.21	12.23	12.32	2.95	12.66	12.93
Cilp	6.96	7.82	7.62	4.57	4.90	4.78
Cpne8	7.07	8.27	8.07	4.03	3.99	7.40
Tfpi2	9.63	10.99	10.88	6.53	8.86	8.12
Gbp2	9.58	12.62	12.58	7.63	9.76	9.53
Mmp12	11.94	10.43	10.55	2.86	11.06	11.13
Gbp3	6.49	11.13	11.13	6.28	8.00	6.75
Stat1	6.61	10.31	10.43	6.22	6.80	6.63
Ccl8	8.55	11.18	11.23	6.97	7.80	8.74
Ppbp	5.49	9.31	9.66	3.45	9.44	4.20
Psmb8	7.16	11.21	11.20	5.78	8.78	7.75
Nrcam	8.38	9.78	9.72	4.14	8.50	8.00
Mgp	12.48	12.74	12.79	9.24	11.26	10.30
Abcb1a	7.05	8.43	8.25	3.70	6.69	6.23
Psmb9	5.65	10.15	9.98	4.92	7.45	6.33
Al256396	6.86	7.63	7.52	4.13	5.92	4.90
BC031748	3.59	6.77	6.74	3.57	3.42	3.18
Decaf1211	7.97	8.74	8.63	4.13	7.54	6.77
Rtp4	5.86	10.95	10.82	6.79	6.58	7.39

gene_name	Cont 1	Cont 2	Cont 3	Exp 1	Exp 2	Exp 3
C530008M17	6.93	5.35	5.28	6.45	7.26	7.28
Dtna	5.56	5.89	5.79	7.56	6.43	6.68
Eps8	6.27	7.11	7.26	8.85	8.13	7.13
Kcnab1	7.03	6.75	6.70	9.57	6.76	7.63
Cd34	4.89	6.52	6.54	10.69	6.52	4.26
Gfra2	6.04	7.40	7.22	8.79	7.29	8.16
Mrvi1	7.68	5.98	5.79	8.07	7.19	7.77
Cdkn2a	6.74	8.36	7.70	10.15	7.83	8.43
Tecr	7.60	7.37	7.50	9.03	8.38	8.66
Rpl17	8.85	7.57	7.62	9.49	9.02	9.16
Ang	8.15	5.72	5.33	8.56	8.65	5.64
Dab2	7.70	7.48	7.23	8.05	9.09	8.96
Ifi2712a	6.34	5.82	5.75	6.19	7.93	7.53
Slit3	7.08	6.76	6.80	7.28	8.10	9.00
Prkar2b	5.63	5.71	5.59	7.84	5.99	6.84
Syt12	7.93	6.99	6.94	9.36	8.34	7.97
Lbh	7.09	6.33	6.25	7.48	8.04	8.01
B430203M17	7.04	6.27	6.01	8.31	7.79	7.25
Nrn1	5.31	7.30	7.35	11.22	7.39	5.45
Ldb3	7.62	5.13	5.01	7.33	6.98	7.56
Hoxb7 ///	5.30	5.54	5.62	8.18	6.09	6.35
Siglecg	8.09	6.81	6.95	9.88	8.09	8.09
Itga8	7.76	6.03	6.20	8.71	7.80	7.75
Gstk1	7.48	6.29	5.99	8.50	7.60	8.01
Gpc4	8.24	6.23	6.32	8.94	8.86	7.36
Cnn1	11.48	9.18	9.31	10.80	11.43	12.11
Gli2	6.15	5.20	4.92	8.45	6.40	5.96
Cxcl12	7.76	8.04	7.93	11.38	9.01	7.88
Prdx2	5.63	6.59	6.55	8.06	7.61	7.68
Adam23 ///	5.98	6.69	6.68	8.78	7.26	8.17
2610305D13	7.85	5.59	5.27	7.63	7.49	8.49
Al747699	8.36	6.74	6.51	8.73	8.79	9.03
Fam13c	6.48	4.93	5.00	8.23	6.23	6.88
Col6a3	10.94	8.65	8.42	11.29	10.75	10.97
H60a	7.51	6.56	6.58	9.64	7.91	8.20
Adam23	5.00	5.67	5.52	7.64	6.32	7.41
Ptn	4.77	4.60	4.24	9.05	4.54	5.26
Npy1r	6.09	5.68	5.96	8.42	7.05	7.54
Nsg1	6.93	7.00	6.70	10.64	7.63	7.76
Kcnmb1	6.81	4.95	5.44	7.29	7.21	8.20
Cd200r4	5.97	2.97	3.24	2.93	7.21	7.60
Sema3a	4.50	4.92	4.60	8.31	5.54	5.90
Ppp1r14a	5.94	4.19	3.89	7.04	6.87	6.16
Tbx18	4.06	5.32	5.52	8.79	6.09	6.29
Ptprz1	6.19	4.16	4.30	7.98	6.10	6.95
Ltbp1	7.99	8.10	8.14	11.39	9.81	9.58
Prelp	7.29	4.54	4.81	9.46	6.51	7.48
Myh11	9.44	7.04	7.13	9.53	10.54	11.17
B230214O09	7.71	2.99	3.55	8.88	8.13	7.39
Xist	2.99	2.31	2.54	9.60	9.69	2.65