

SUPPLEMENTAL TABLE 1

Primer details

Locus	Primer name	Chromosomal no.	Accession no.	Primer sequence
TA81	TA81-F TA81-R TA81-FM13	5	AF010510	GAAGAAATAAGGGAAGGT TTTCACACAACACAGGATT CACGACGTTGTAAAAACGACT GGACAAATGGGAAAGGATA
ARA2	ARA2-F ARA2-R ARA2- FM13	11	X17484	GTACATATGAATCACAA GCTTTGAGTATTATTAATA CACGACGTTGTAAAAACGAC GAAATAAACAAAGTATTGCT
TA87	TA87- F TA87-R TA87- FM13	6	AF010571	ATGGGTAAATGAGGTACA ACATGTTTCATATTACTCAC CACGACGTTGTAAAAACGACA ATGGCAACACCATTCAAC
TA40	TA40-F TA40-R TA40-FM13 TA40-RI	10	AF010542	AAGGGATTGCTGCAAGGT GAAATTGGCACCACCACA CACGACGTTGTAAAAACGACA AAGGGATTGCTGCAAGGT CATCAATAAAATCACTACTA
TA42	TA42-F TA42-R TA42-FM13	5	AF010543	ACAAAAGGGTGGTGATTCT GTATTACTACTACTAAAG CACGACGTTGTAAAAACGACT AGAAACAGGAATGATACG
TA1	TA1-F TA1-R TA1-FM13	6	AF010507	CTACATGCCTAATGAGCA TTTTATCTTCATCCCCAC CACGACGTTGTAAAAACGAC CCCGTCATAAGTGCAGAGC
TA109	TA109-F TA109-R TA109-FM13	6	AF010508	TAGGGAACATCATAAGGAT CCTATACCAAACATGCTAAA CACGACGTTGTAAAAACGAC GTTAAATCAGGACAACAT
PFG377	PFG377-F PFG377-OR PFG377-FM13 PFG377-R M13FHEX	12	L04161	GATCTCAACGGAAATTAT TTATCCCTACGATTAACA CACGACGTTGTAAAAACGAC GATCTCAACGGAAATTAT TTATGTTGGTACCGTGTA CACGACGTTGTAAAAACGAC
		Universal reporter primer		

Sequence in **bold** is M13 tag.

SUPPLEMENTAL TABLE 2
Microsatellite genotype profiles for 188 isolates

S. No.	Sample ID	Marker loci							
		ARA2	PFG377	TA1	TA40	TA42	TA81	TA87	TA109
1	K5	78	105	197	248	204	138	120	191
2	K1	75	90	197	209	204	108	123	185
3	K105	84	114	179	227	210	135	126	191
4	K106	87	114	188	233	228	135	117	194
5	K10	78	114	179	224	201	144	117	179
6	K111	75	90	185	203	204	135	114	215
7	K116	75	96	179	230	207	165	126	215
8	K13	75	81	197	248	207	150	117	215
9	K130	75	81	179	218	204	135	114	215
10	K15	99	96	191	233	204	138	123	179
11	K17	75	81	179	203	207	144	114	212
12	K18	87	87	152	233	204	144	108	179
13	K19	75	81	191	206	219	138	129	215
14	K2	72	87	182	248	207	105	117	215
15	K20	75	81	191	227	201	138	114	215
16	K27	75	96	191	230	204	111	114	215
17	K28	75	87	179	236	204	141	111	215
18	K3	75	81	197	248	207	141	117	215
19	K30	75	87	179	227	201	102	111	215
20	K33	75	117	179	224	210	141	114	215
21	K36	75	81	227	224	201	141	117	215
22	K39	75	87	227	242	201	135	114	215
23	K40	75	114	179	206	219	111	129	191
24	K41	75	87	179	206	219	165	114	215
25	K42	75	81	191	230	204	165	114	215
26	K44	87	102	179	230	204	108	114	215
27	K46	75	81	200	239	204	111	114	215
28	K49	75	90	191	239	204	141	114	227
29	K52	75	84	140	227	204	102	114	215
30	K6	75	90	200	218	207	153	117	215
31	K60	99	105	227	209	180	135	114	206
32	K9	84	93	188	230	204	135	120	179
33	K90	75	90	200	227	204	132	114	215
34	K92	84	114	194	239	204	144	117	188
35	K94	75	87	185	203	204	132	111	212
36	MC120	93	105	188	233	204	153	111	179
37	MC16	87	120	182	233	207	138	123	191
38	MC34	90	105	188	239	204	165	123	182
39	MC54	84	114	188	236	204	138	120	179
40	MC56	84	105	188	242	204	144	123	185
41	MC78	87	105	179	230	204	147	123	200
42	MC90	84	105	185	239	204	135	114	203
43	MC1	93	114	179	230	204	144	120	191
44	MC101	75	111	185	203	201	135	123	215
45	MC105	75	111	173	203	201	126	114	212
46	MC108	75	81	194	236	204	141	123	215
47	MC11	87	93	179	230	210	138	123	194
48	MC117	75	111	191	224	204	141	114	182
49	MC123	75	111	191	230	207	141	117	182
50	MC124	75	111	191	233	204	141	117	215
51	MC125	75	111	191	212	204	102	114	212
52	MC127	75	93	191	233	204	138	129	215
53	MC129	84	93	179	236	204	138	126	215
54	MC13	87	105	185	236	204	135	123	179
55	MC133	75	117	152	233	198	135	114	215
56	MC134	75	114	179	215	201	141	114	215
57	MC141	78	114	182	230	204	141	114	194
58	MC145	84	93	185	233	225	147	135	182
59	MC15	84	117	179	245	204	147	132	182
60	MC21	93	114	182	233	210	144	123	179
61	MC212	87	117	185	233	222	144	120	194
62	MC32	87	114	182	236	204	141	123	194
63	MC4	84	114	194	200	162	141	123	191
64	MC84	87	114	191	233	228	144	114	194
65	MC91	75	93	194	239	204	102	117	215
66	MC93	87	111	197	230	219	135	114	182
67	MC98	75	111	179	206	204	141	126	215
68	MI161	84	117	182	224	204	147	123	179

(continued)

SUPPLEMENTAL TABLE 2
Continued

S. No.	Sample ID	Marker loci							
		ARA2	PFG377	TA1	TA40	TA42	TA81	TA87	TA109
69	MI20	84	144	191	236	207	144	114	185
70	MI200	93	147	194	212	198	135	123	179
71	MI203	84	117	182	212	207	135	123	179
72	MI37	87	114	185	236	204	135	120	179
73	MI198	75	93	197	239	204	150	114	215
74	MI199	75	90	197	218	207	144	114	215
75	MI201	93	114	197	230	207	144	117	179
76	MI202	75	117	179	203	204	147	117	215
77	MI117	81	114	203	236	201	144	120	176
78	MI162	84	105	179	245	204	135	120	179
79	MI23	84	84	185	233	204	147	129	182
80	MI38	87	117	203	215	219	144	117	185
81	MI41	78	105	179	230	204	135	111	197
82	MI52	90	114	173	224	204	141	114	179
83	MI54	87	117	200	227	204	144	117	179
84	MI57	84	114	188	236	204	138	120	191
85	MI74	84	114	182	215	204	138	114	182
86	N213	84	147	212	212	180	147	114	179
87	N92	84	144	182	206	207	138	114	194
88	N156	75	144	188	236	213	132	111	185
89	N157	87	114	164	212	219	147	108	182
90	N177	87	147	164	230	204	138	120	191
91	N25	84	84	164	233	180	126	114	191
92	N29	87	129	164	233	204	165	120	191
93	N42	87	129	164	230	207	147	114	182
94	N43	87	117	188	218	204	165	123	215
95	N50	90	129	164	230	165	138	135	215
96	N54	96	90	179	230	219	132	126	203
97	N55	87	105	191	203	207	132	123	215
98	N62	87	90	182	203	213	126	123	215
99	N73	72	93	179	233	201	144	117	215
100	N84	87	87	164	212	182	135	126	191
101	N90	87	81	212	233	201	177	123	179
102	N95	78	114	209	230	204	135	114	191
103	T101	78	114	188	215	219	138	120	191
104	T114	87	105	188	227	204	141	126	194
105	T122	84	129	188	236	207	147	120	185
106	T128	84	105	191	233	204	138	117	182
107	T150	84	114	179	239	207	135	132	182
108	T191	84	114	164	224	207	141	117	182
109	T197	87	114	164	212	204	132	105	203
110	T209	78	114	179	230	201	144	117	215
111	T241	84	84	203	209	204	135	126	203
112	T41	87	132	185	212	165	144	120	179
113	T115	84	117	179	233	204	147	129	182
114	T119	75	87	179	218	210	141	129	179
115	T126	75	90	185	230	207	138	117	179
116	T137	75	96	188	218	207	114	117	215
117	T142	87	96	212	218	204	144	111	215
118	T153	93	81	179	218	204	99	120	215
119	T16	75	84	179	218	201	144	114	209
120	T166	75	90	194	227	201	108	120	212
121	T169	75	90	185	239	207	102	117	182
122	T172	75	141	200	206	207	99	117	215
123	T176	75	96	197	203	207	165	102	197
124	T185	75	141	197	236	204	150	114	215
125	T196	75	90	197	230	210	165	114	215
126	T204	75	81	194	218	210	147	114	215
127	T208	87	117	179	248	204	147	123	194
128	T247	75	117	197	230	204	141	123	215
129	T26	75	93	194	218	207	165	129	215
130	T30	72	81	194	230	207	117	126	215
131	T33	75	114	185	218	204	144	114	215
132	T64	75	111	185	218	204	144	114	215
133	T68	96	111	185	218	204	102	123	218
134	T72	96	111	209	239	204	141	123	218
135	T73	75	93	197	218	204	150	120	215
136	T77	75	93	194	218	204	147	114	215

(continued)

SUPPLEMENTAL TABLE 2

Continued

S. No.	Sample ID	Marker loci							
		ARA2	PFG377	TA1	TA40	TA42	TA81	TA87	TA109
137	T81	75	90	197	218	204	150	114	215
138	T9	75	81	179	218	207	144	114	212
139	U10	84	84	185	224	210	135	126	194
140	U101	81	105	179	212	204	144	123	182
141	U106	87	117	200	230	204	132	114	182
142	U107	78	105	194	233	204	138	129	179
143	U110	99	84	185	209	198	147	114	182
144	U117	72	90	179	203	198	141	117	215
145	U118	75	90	179	218	204	135	117	215
146	U120	87	90	185	224	207	135	117	215
147	U123	90	93	203	218	204	135	117	179
148	U125	87	93	179	227	204	132	117	203
149	U126	87	93	188	230	204	135	117	182
150	U129	72	90	188	230	204	129	114	188
151	U130	90	84	146	227	204	144	111	182
152	U15	78	105	185	224	204	135	114	185
153	U16	84	105	179	200	207	144	120	179
154	U168	84	96	191	227	204	138	126	179
155	U17	90	105	188	224	204	144	114	176
156	U171	84	93	182	227	204	141	114	191
157	U176	87	105	200	233	207	144	114	176
158	U19	102	105	185	233	204	138	108	185
159	U207	84	87	185	221	204	147	114	182
160	U21	84	105	179	212	204	138	114	176
161	U218	78	105	197	230	204	135	126	182
162	U23	90	105	176	233	204	135	117	176
163	U233	90	87	188	230	204	126	123	179
164	U237	84	84	194	212	204	135	114	215
165	U24	93	84	197	212	222	132	114	203
166	U244	84	129	206	209	204	162	114	179
167	U246	84	114	218	209	198	135	114	185
168	U27	84	105	188	239	204	165	114	179
169	U31	84	114	191	206	204	135	123	194
170	U33	96	84	188	248	219	141	114	194
171	U34	84	117	185	200	201	135	117	191
172	U4	87	105	188	215	210	135	117	215
173	U41	78	105	188	230	219	135	117	179
174	U46	84	117	179	200	204	135	120	185
175	U49	96	105	182	209	204	144	111	179
176	U50	87	105	149	248	204	159	117	182
177	U53	84	105	179	233	204	147	114	179
178	U55	93	105	185	230	204	144	120	185
179	U57	93	105	179	233	219	141	123	182
180	U61	90	114	182	230	219	138	126	191
181	U64	87	87	185	236	204	144	114	179
182	U65	84	87	176	227	204	144	120	179
183	U70	78	96	188	212	204	135	123	194
184	U74	87	105	179	230	204	138	114	179
185	U79	81	84	185	206	204	132	114	194
186	U86	81	105	215	209	204	135	114	194
187	U94	81	105	197	215	204	162	114	194
188	U95	81	105	179	218	204	135	123	194

SUPPLEMENTAL TABLE 3
Allelic frequencies at eight microsatellite loci

Locus	Allele	Kibuogi	Mfangano	Ngodhe	Takawiri	Ungoye
ARA2	102	0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
	72	0.029	0.000	0.059	0.028	0.040
	75	0.686	0.300	0.059	0.528	0.020
	78	0.057	0.040	0.059	0.056	0.100
	81	0.000	0.020	0.000	0.000	0.100
	84	0.086	0.280	0.176	0.167	0.300
	87	0.086	0.220	0.529	0.139	0.180
	90	0.000	0.040	0.059	0.000	0.120
	93	0.000	0.100	0.000	0.028	0.060
	96	0.000	0.000	0.059	0.056	0.040
PFG377	99	0.057	0.000	0.000	0.000	0.020
	102	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000
	105	0.057	0.160	0.059	0.056	0.440
	111	0.000	0.160	0.000	0.083	0.000
	114	0.143	0.280	0.118	0.167	0.060
	117	0.029	0.160	0.059	0.083	0.060
	120	0.000	0.020	0.000	0.000	0.000
	129	0.000	0.000	0.176	0.028	0.020
	132	0.000	0.000	0.000	0.028	0.000
	141	0.000	0.000	0.000	0.056	0.000
TA1	144	0.000	0.020	0.118	0.000	0.000
	147	0.000	0.020	0.118	0.000	0.000
	81	0.257	0.020	0.059	0.111	0.000
	84	0.029	0.020	0.059	0.056	0.140
	87	0.200	0.000	0.059	0.028	0.080
	90	0.143	0.020	0.118	0.139	0.080
	93	0.029	0.120	0.059	0.083	0.080
	96	0.086	0.000	0.000	0.083	0.040
	140	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000
	146	0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
TA40	149	0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
	151	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000
	152	0.000	0.020	0.000	0.000	0.000
	164	0.000	0.000	0.412	0.056	0.000
	173	0.000	0.040	0.000	0.000	0.000
	176	0.000	0.000	0.000	0.000	0.040
	179	0.314	0.200	0.118	0.222	0.220
	182	0.029	0.140	0.118	0.000	0.060
	185	0.057	0.140	0.000	0.167	0.200
	188	0.057	0.100	0.118	0.111	0.180
	191	0.171	0.140	0.059	0.028	0.040
	194	0.029	0.080	0.000	0.139	0.040
	197	0.114	0.080	0.000	0.167	0.060
	200	0.086	0.020	0.000	0.028	0.040
	203	0.000	0.040	0.000	0.028	0.020
	206	0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
	209	0.000	0.000	0.059	0.028	0.000
	212	0.000	0.000	0.118	0.028	0.000
	215	0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
	218	0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
	227	0.086	0.000	0.000	0.000	0.000
	200	0.000	0.020	0.000	0.000	0.060
	203	0.114	0.060	0.118	0.028	0.020
	206	0.086	0.020	0.059	0.028	0.060
	209	0.057	0.000	0.000	0.028	0.100
	212	0.000	0.060	0.176	0.056	0.100
	215	0.000	0.060	0.000	0.028	0.040
	218	0.057	0.020	0.059	0.389	0.060
	221	0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
	224	0.086	0.040	0.000	0.000	0.100
	227	0.143	0.020	0.000	0.056	0.100
	230	0.143	0.160	0.294	0.139	0.180
	233	0.086	0.220	0.235	0.056	0.100
	236	0.029	0.180	0.059	0.056	0.000
	239	0.086	0.100	0.000	0.111	0.020
	242	0.029	0.020	0.000	0.000	0.000
	245	0.000	0.020	0.000	0.000	0.000
	248	0.086	0.000	0.000	0.028	0.040

(continued)

SUPPLEMENTAL TABLE 3

Continued

Locus	Allele	Kibuogi	Mfangano	Ngodhe	Takawiri	Ungoye
TA42	162	0.000	0.020	0.000	0.000	0.000
	165	0.000	0.000	0.059	0.028	0.000
	180	0.029	0.000	0.059	0.000	0.000
	183	0.000	0.000	0.118	0.000	0.000
	198	0.000	0.040	0.000	0.000	0.060
	201	0.143	0.100	0.118	0.083	0.040
	204	0.486	0.560	0.235	0.472	0.680
	207	0.171	0.120	0.176	0.306	0.060
	210	0.057	0.060	0.000	0.083	0.040
	213	0.000	0.000	0.118	0.000	0.000
	219	0.086	0.040	0.118	0.028	0.100
	222	0.000	0.020	0.000	0.000	0.020
	225	0.000	0.020	0.000	0.000	0.000
	228	0.029	0.020	0.000	0.000	0.000
	TA81	102	0.057	0.040	0.000	0.056
105		0.029	0.000	0.000	0.000	0.000
108		0.057	0.000	0.000	0.028	0.000
111		0.086	0.000	0.000	0.000	0.000
114		0.000	0.000	0.000	0.028	0.000
126		0.000	0.020	0.118	0.000	0.020
129		0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
132		0.057	0.000	0.176	0.028	0.080
135		0.200	0.200	0.118	0.056	0.360
138		0.114	0.140	0.176	0.083	0.120
141		0.143	0.200	0.000	0.139	0.080
144		0.114	0.220	0.059	0.194	0.180
147		0.000	0.120	0.176	0.167	0.060
150		0.029	0.020	0.000	0.083	0.000
153		0.029	0.020	0.000	0.000	0.000
159		0.000	0.000	0.000	0.000	0.020
162		0.000	0.000	0.000	0.000	0.040
165		0.086	0.020	0.118	0.083	0.020
177	0.000	0.000	0.059	0.000	0.000	
99	0.000	0.000	0.000	0.056	0.000	
TA87	102	0.000	0.000	0.000	0.028	0.000
	105	0.000	0.000	0.000	0.028	0.000
	108	0.029	0.000	0.059	0.000	0.020
	111	0.086	0.040	0.059	0.056	0.040
	114	0.400	0.280	0.294	0.250	0.420
	117	0.229	0.140	0.059	0.167	0.220
	120	0.057	0.140	0.118	0.194	0.080
	123	0.057	0.280	0.235	0.083	0.120
	126	0.057	0.040	0.118	0.083	0.080
	129	0.086	0.040	0.000	0.083	0.020
	132	0.000	0.020	0.000	0.028	0.000
	135	0.000	0.020	0.059	0.000	0.000
TA109	176	0.000	0.020	0.000	0.000	0.080
	179	0.086	0.240	0.118	0.056	0.260
	182	0.029	0.160	0.118	0.194	0.200
	185	0.029	0.060	0.059	0.028	0.100
	188	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000
	191	0.086	0.060	0.294	0.028	0.060
	194	0.029	0.120	0.059	0.056	0.160
	197	0.000	0.020	0.000	0.028	0.000
	200	0.000	0.020	0.000	0.000	0.000
	203	0.000	0.020	0.059	0.056	0.040
	206	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000
	209	0.000	0.000	0.000	0.028	0.000
	212	0.057	0.040	0.000	0.028	0.000
	215	0.600	0.240	0.294	0.444	0.100
218	0.000	0.000	0.000	0.056	0.000	
227	0.029	0.000	0.000	0.000	0.000	