

Silver Nanoparticles Impact Biofilm Communities and Mussel Settlement

Jin-Long Yang^{1,2,3*}, Yi-Feng Li^{1*}, Xiao Liang^{1*}, Xing-Pan Guo¹, De-Wen Ding², Demin Zhang³, Shuxue Zhou⁴, Wei-Yang Bao⁵, Nikoleta Bellou⁶, Sergey Dobretsov^{7,8}

¹ Key Laboratory of Exploration and Utilization of Aquatic Genetic Resources, Shanghai Ocean University, Ministry of Education, China

² Marine Ecology Research Center, The First Institute of Oceanography, State Oceanic Administration, Qingdao, China

³ Collaborative Innovation Center for Zhejiang Marine High-efficiency and Healthy Aquaculture, Ningbo, China

⁴ Department of Materials Science, State Key Laboratory of Molecular Engineering of Polymers, Advanced Coatings Research Center of Ministry of Education of China, Fudan University, Shanghai, China

⁵ Institute of Marine Science and Technology, Yangzhou University, Yangzhou, China

⁶ Hellenic Centre for Marine Research, Institute of Oceanography, Athens, Greece

⁷ Department of Marine Science and Fisheries, College of Agricultural and Marine Sciences, Sultan Qaboos University, Muscat, Oman

⁸ Center of Excellence in Marine Biotechnology, Sultan Qaboos University, Muscat, Oman

Corresponding authors:

Jin-Long Yang^{1,2,3}, No. 999 Hucheng Huan Road, Shanghai, 201306, China, e-mail address: jlyang@shou.edu.cn

Wei-Yang Bao⁵, No. 88 South University Ave., Yangzhou, Jiangsu, 225009, China, e-mail address: baowy@yzu.edu.cn

*These authors contributed equally.

Supplementary Tables

Table S1. Relative abundance (in %) of the sequences from biofilms on three substrata assigned to different phyla.

Phyla	Glas s-1	Glas s-2	Glas s-3	PD MS- 1	PD MS- 2	PD MS- 3	1 wt% AgN Ps-1	1 wt% AgN Ps-2	1 wt% AgN Ps-3
Acidobacteria	0.07	0.16	0.05	0.02	0.01	0.03	0.01	0.02	0.01
Armatimonadetes	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
BD1-5	1.81	0.72	0.56	0.05	0.33	0.18	12.1 4	0.98	2.53
Bacteria_norank	0.82	1.27	0.55	0.28	0.20	0.30	0.21	0.21	0.16
Bacteria_unclassified	0.03	0.85	0.05	0.02	0.01	0.49	0.36	0.64	0.07
Bacteroidetes	18.8 7	21.3 5	18.3 0	40.4 3	36.7 5	38.4 0	7.59	6.47	23.5 2
CKC4	0.10	3.50	0.01	0.00	0.00	0.01	2.90	1.72	0.67
Candidate_division_B RC1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_O D1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_O P11	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_O P3	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_O P8	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_S R1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_T M7	0.03	0.06	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.01
Candidate_division_ WS3	0.01	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Chlamydiae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Chlorobi	0.03	0.05	0.02	0.03	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02
Chloroflexi	0.01	0.09	0.02	0.01	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
Cyanobacteria	0.13	0.20	0.10	0.03	0.02	0.03	0.02	0.02	0.01
Deferribacteres	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Deinococcus-Thermus	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Elusimicrobia	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Fibrobacteres	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Firmicutes	12.7 5	19.0 9	12.7 3	3.93	4.23	4.26	13.3 3	22.9 3	10.5 9
Fusobacteria	0.20	0.38	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01

Gemmatimonadetes	0.00	0.02	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
Lentisphaerae	0.00	0.02	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
Nitrospirae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Planctomycetes	1.34	3.58	1.30	0.39	0.24	0.31	0.61	0.52	0.29
Proteobacteria	63.6	48.4	66.1	54.7	58.1	55.9	62.7	66.2	61.9
	5	8	9	9	6	5	1	4	7
SHA-109	0.02	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.02	0.00	0.01
Spirochaetae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Synergistetes	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
TM6	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Tenericutes	0.07	0.09	0.02	0.00	0.00	0.00	0.05	0.19	0.13
Verrucomicrobia	0.06	0.04	0.01	0.01	0.00	0.00	0.01	0.02	0.00

Table S2. Relative abundance (in %) of the sequences from biofilms on glass, PDMS and PDMS filled with 1 wt% AgNPs assigned to different families.

Family	GI	GI	GI	PD	PD	PD	1	1	1
	ass	ass	ass	MS-	MS-	MS-	wt	wt	wt
	-1	-2	-3	1	2	3	%	%	%
	Ag	Ag	Ag	Ag	Ag	Ag	NPs	NPs	NPs
	-1	-2	-3	-1	-2	-3	-1	-2	-3
0319-6G20	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
288-2	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
34P16_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
43F-1404R_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
ABS-19	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
AEGEAN-245_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
AKIW1012	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
AT-s3-28_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Acetobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Acholeplasmataceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.02	0.04	0.07
	7	1	0						
Acidaminococcaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Acidimicrobiaceae	0.2	0.6	0.1	0.05	0.02	0.03	0.06	0.02	0.01
	6	9	4						
Acidimicrobiales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Acidimicrobiales_uncultured	0.0	0.1	0.0	0.01	0.00	0.00	0.02	0.01	0.00
	7	1	2						
Acidobacteria_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	1	0						
Actinobacteria_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Adriatic90_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						

Aerococcaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	1						
Aeromonadaceae	0.0	0.3	0.0	0.00	0.00	0.00	0.07	0.05	0.15
	0	5	1						
Alcaligenaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Alcanivoracaceae	0.0	0.0	0.0	1.16	1.36	0.68	0.00	0.00	0.05
	8	1	5						
Alicyclobacillaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00
	1	1	1						
Alphaproteobacteria_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	2	1	0						
Alteromonadaceae	0.2	0.4	0.2	2.36	3.34	3.35	0.21	0.05	0.51
	1	9	0						
Alteromonadales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	1	3						
Anaerolineaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
	1	4	1						
Ardenticatenales_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Ardenticatenia_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	4	1						
Armatimonadetes_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Aurantimonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
BD1-5_norank	1.8	0.7	0.5	0.05	0.33	0.18	12.1	0.98	2.53
	1	2	6				4		
BD2-11_terrestrial_group_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
BD2-2_norank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
BD7-8_marine_group_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
BG.g7_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
BSV26	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Bacillaceae	0.0	0.0	0.0	0.06	0.05	0.07	0.04	0.06	0.07
	9	2	9						
Bacteria_unclassified	0.0	0.8	0.0	0.02	0.01	0.49	0.36	0.64	0.07
	3	5	5						
Bacteriovoracaceae	0.0	0.0	0.0	9.63	7.43	3.53	0.01	0.00	0.00
	1	1	0						

Bacteroidaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.06	0.36	0.00
	0	8	0						
Bacteroidales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
	0	2	0						
Bacteroidetes_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.05	0.08	0.02	0.00	0.00	0.00
	0	1	1						
Bdellovibrionaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Beutenbergiaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
Bifidobacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0	1	2						
Brevibacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Brucellaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Burkholderiaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	0	0						
CA002	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
CKC4_norank	0.1	3.5	0.0	0.00	0.00	0.01	2.90	1.72	0.67
	0	0	1						
Caenarcaniphilales_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Caldilineaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
Campylobacteraceae	6.7	1.9	0.7	0.04	0.07	0.16	3.75	10.1	3.90
	2	7	1					6	
Candidate_division_BRC1_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Candidate_division_OD1_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Candidate_division_OP11_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Candidate_division_OP3_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Candidate_division_OP8_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Candidate_division_SR1_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Candidate_division_TM7_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.01
	3	6	1						
Candidate_division_TM7_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						

Candidate_division_WS3_no rank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	1	0						
Carnobacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.03	0.04	0.02	0.03
	6	1	8						
Caulobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Chitinophagaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01
	1	2	0						
Chlamydiaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Chlamydiales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Chloroflexi_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Chromatiaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Clostridiaceae_1	4.4	3.0	1.2	0.01	0.00	0.01	1.31	0.88	0.24
	1	8	4						
Clostridiaceae_2	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	0	0						
Clostridiaceae_3	0.0	0.0	0.2	0.00	0.00	0.00	0.02	0.03	0.00
	8	6	2						
Clostridiales_clostridiales_in certae_sedis	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Clostridiales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.11	0.02	0.02
	2	5	1						
Colwelliaceae	0.0	0.0	0.0	0.80	0.65	1.59	0.01	0.02	0.04
	1	2	2						
Comamonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00
	1	0	1						
Corynebacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
	0	0	1						
Coxiellaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.01	0.01	0.01	0.00	0.01
	1	3	2						
Crenotrichaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Cryomorpaceae	0.0	0.1	0.1	1.89	1.95	1.91	0.04	0.09	0.42
	5	6	5						
Cyanobacteria_norank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.02	0.03	0.01	0.01	0.00
	6	8	4						
Cyclobacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	0	0						
Cystobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						

Cytophagaceae	0.5 2	0.6 2	0.6 0	0.00	0.02	0.01	0.16	0.50	0.06
Cytophagales_unclassified	0.0 0	0.0 1	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
DB1-14_norank	0.1 4	0.1 3	0.1 2	0.01	0.03	0.07	0.05	0.05	0.03
DEV007	0.0 2	0.0 1	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Deferribacterales_deferribacterales_incertae_sedis	0.0 0	0.0 0	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Defluviitaleaceae	0.3 2	0.0 4	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.08	0.04	0.00
Deinococcaceae	0.0 0	0.0 0	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Deltaproteobacteria_unclassified	0.0 0	0.0 0	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Desulfarculaceae	0.0 0	0.0 0	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Desulfobacteraceae	0.0 0	0.0 1	0.0 0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Desulfobulbaceae	0.0 4	0.0 9	0.0 5	0.01	0.00	0.02	0.00	0.00	0.01
Dietziaceae	0.0 0	0.0 0	0.0 0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
E01-9C-26_marine_group_norank	0.0 1	0.0 1	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
EC3_norank	0.0 2	0.0 6	0.0 1	0.00	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00
EV818SWSAP88	0.0 0	0.0 1	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ectothiorhodospiraceae	0.0 1	0.0 3	0.0 1	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Elev-16S-1332	0.0 0	0.0 0	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Enterobacteriaceae	0.0 8	0.0 5	0.0 8	0.07	0.05	0.05	0.08	0.02	0.02
Enterococcaceae	0.0 5	0.0 2	0.0 7	0.01	0.03	0.04	0.03	0.05	0.04
Erysipelotrichaceae	0.0 0	0.0 5	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
Erythrobacteraceae	0.5 7	0.5 2	0.3 7	0.29	0.25	0.22	0.13	0.06	0.05
FS117-23B-02_norank	0.0 0	0.0 0	0.0 0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

Family_XI	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
	0	6	0						
Family_XII	3.8	13.	3.5	0.01	0.01	0.01	8.26	18.2	7.44
	6	97	7					2	
Family_XIII	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	4	1	0						
Ferrimonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.02	0.01	0.06	0.01	0.04	0.03
	6	2	1						
Fibrobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	1						
Flammeovirgaceae	0.1	0.2	0.2	0.04	0.03	0.05	0.01	0.05	0.07
	0	7	4						
Flavobacteriaceae	17.	18.	16.	38.0	34.4	36.1	7.04	4.05	22.7
	67	29	69	9	4	3			3
Flavobacteriales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.08	0.05	0.00	0.00	0.00	0.01
	0	0	0						
Francisellaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Fusobacteriaceae	0.1	0.3	0.0	0.01	0.00	0.01	0.02	0.01	0.01
	9	8	2						
GIF3_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
GIF9_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
GR-WP33-30_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
GR-WP33-58	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Gaiellaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Gaiellales_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Gammaproteobacteria_incert ae_sedis	0.2	0.6	0.1	0.24	0.09	0.10	0.02	0.04	0.03
	1	0	9						
Gammaproteobacteria_unclas sified	0.0	0.1	0.0	0.15	0.09	0.11	0.01	0.00	0.01
	5	3	3						
Gemmatimonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Geobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Gracilibacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Granulosicoccaceae	0.1	0.0	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01
	0	8	7						

HOC36_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Hahellaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Haliangiaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Halomonadaceae	0.3	0.2	0.1	0.04	0.05	0.04	0.02	0.00	0.00
	9	4	5						
Haloplasmataceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	3	2						
Helicobacteraceae	0.0	0.1	0.0	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01	0.01
	4	1	2						
Holosporaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Hydrogenophilaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Hyphomicrobiaceae	0.0	0.1	0.0	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01
	8	8	4						
Hyphomonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.07	0.03	0.01	0.00	0.00	0.00
	3	3	0						
Idiomarinaceae	0.0	0.0	0.0	0.88	0.68	0.74	0.01	0.00	0.00
	8	1	5						
Ignavibacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Intrasporangiaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
JG30-KF-CM45_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
JG30-KF-CM66_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
JTB215	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.03	0.05	0.00
	0	6	0						
JTB255_marine_benthic_group	0.2	0.3	0.1	0.05	0.06	0.08	0.03	0.06	0.02
	3	0	4						
KI89A_clade_norank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	2	0						
Kazan-2B-17	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	4	1	0						
LD1-PA26_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
LD1-PA34_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
LD1-PB3_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						

LWSR-14	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	1	1						
Lachnospiraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.02	0.00
	0	7	0						
Lactobacillaceae	0.0	0.0	0.0	0.02	0.02	0.03	0.01	0.02	0.01
	2	1	3						
Legionellaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	1	2	2						
Lentisphaeraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Lentisphaerae_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Leptospiraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Leptotrichiaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	1						
Leuconostocaceae	0.1	0.0	0.2	0.04	0.07	0.10	0.06	0.12	0.06
	1	3	2						
Lineage_I_(Endomicrobia)_n orank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Listeriaceae	0.0	0.0	0.1	0.10	0.09	0.07	0.06	0.04	0.05
	8	3	3						
M2PB4-65_termite_group	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
MBAE14	0.0	0.0	0.0	0.03	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
MSB- 3A7_sediment_group_norank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Marinilabiaceae	0.2	1.0	0.3	0.03	0.04	0.07	0.23	0.73	0.18
	6	6	2						
Methylobacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Methylococcaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Methylophilaceae	0.2	0.2	0.1	0.09	0.13	0.09	0.08	0.04	0.06
	6	1	6						
Microbacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	1	1						
Micrococcaceae	0.1	0.0	0.2	0.14	0.13	0.19	0.11	0.12	0.13
	6	7	3						
Milano-WF1B-44_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Mollicutes_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
	0	1	0						

Moraxellaceae	0.29	1.67	0.59	0.49	0.46	0.38	0.32	0.12	0.29
Moritellaceae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Mycobacteriaceae	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Mycoplasmataceae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Myxococcales_unclassified	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Myxococcales_uncultured	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NB-1d	0.00	0.00	0.00	0.07	0.08	0.12	0.02	0.01	0.04
NB1-n_norank	0.00	0.03	0.00	0.00	0.00	0.00	0.03	0.10	0.05
NKB5_norank	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
NS11-12_marine_group	0.00	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
NS72	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NS7_marine_group	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NS9_marine_group	0.00	0.02	0.01	0.02	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Nannocystaceae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Neisseriaceae	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
Nitrosomonadaceae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nitrospiraceae	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nitrospira_norank	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nocardiaceae	0.05	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02	0.00	0.00	0.00
Nocardioidaceae	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
OCS116_clade_norank	0.07	0.05	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.01
OM190_norank	0.04	0.06	0.04	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01

OM1_clade	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
	5	9	2						
OPB56	0.0	0.0	0.0	0.03	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02
	3	5	2						
Oceanospirillaceae	5.6	1.4	2.3	2.19	2.62	2.54	8.62	1.68	5.70
	4	5	0						
Oligosphaerales_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Opitutae_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Oxalobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.03	0.02	0.00	0.02	0.00
	1	0	5						
PAUC26f	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
PAUC43f_marine_benthic_group	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	2	0						
PHOS-HE36	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
PHOS-HE51	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Paenibacillaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Parvularculaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
	2	1	1						
PeM15_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	1	2	2						
Peptostreptococcaceae	0.2	0.2	0.0	0.00	0.00	0.01	0.03	0.37	0.00
	0	1	8						
Phycisphaeraceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00
	0	3	1						
Phyllobacteriaceae	0.2	0.4	0.1	0.06	0.06	0.07	0.21	0.10	0.10
	9	2	6						
Piscirickettsiaceae	0.0	0.0	0.1	0.35	0.49	0.40	0.10	0.01	0.37
	7	4	2						
Planctomycetaceae	1.3	3.4	1.2	0.36	0.21	0.29	0.59	0.50	0.29
	0	0	5						
Planctomycetes_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Planococcaceae	0.0	0.0	0.1	0.04	0.09	0.10	0.09	0.05	0.05
	6	5	1						
Porphyromonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	0	1	0						
Prevotellaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						

Propionibacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Proteobacteria_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Pseudoalteromonadaceae	21.83	8.40	22.93	20.16	24.99	15.93	9.91	6.95	13.28
Pseudomonadaceae	0.60	0.23	1.03	0.64	0.67	0.53	0.72	0.40	0.45
Pseudonocardiaceae	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	0	0						
Psychromonadaceae	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.04	0.01	0.01	0.00
	0	2	3						
Puniceicoccaceae	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	1	0						
R76-B128_norank	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
RB41	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
RF9_norank	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.03	0.00
	0	0	0						
Rhizobiaceae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Rhizobiales_unclassified	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
Rhizobiales_uncultured	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Rhodobacteraceae	5.35	10.34	5.65	3.39	2.75	3.18	1.01	0.74	0.92
Rhodobiaceae	0.06	0.09	0.04	0.03	0.00	0.02	0.00	0.00	0.02
	6	9	4						
Rhodocyclaceae	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Rhodospirillaceae	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.03
	1	1	1						
Rhodospirillales_rhodospirillales_incertae_sedis	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Rhodospirillales_unclassified	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Rhodothermaceae	0.03	0.04	0.03	0.08	0.04	0.04	0.00	0.01	0.00
	3	4	3						
Rickettsiaceae	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	1	0						
Rickettsiales_rickettsiales_incertae_sedis	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						

Rickettsiales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Rubritaleaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Ruminococcaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	1						
Run-SP154_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
SAR324_clade(Marine_group_B)_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	0	0						
SB-1_norank	0.0	0.4	0.0	0.02	0.00	0.01	0.00	0.10	0.00
	2	2	6						
SB-5_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
SB1-18_norank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
SC3-20_norank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
	1	1	0						
SHA-109_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.02	0.00	0.01
	2	1	1						
SJA-28	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
SM2D12	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
SPOTSOCT00m83_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
SS1-B-03-39_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
SS1-B-06-26	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00	0.00
	1	3	1						
SWB04	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	1	2	1						
SZB30_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Sandaracinaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00
	2	4	0						
Saprospiraceae	0.1	0.2	0.1	0.10	0.06	0.12	0.03	0.06	0.01
	7	8	3						
Schleiferiaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Sh765B-TzT-29_norank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01	0.00
	2	3	2						
Shewanellaceae	0.3	0.2	0.1	0.68	0.91	1.59	0.07	0.03	0.04
	1	9	0						

Skagenf62_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.01
	0	0	0						
Solirubrobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Sphingobacteriaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01
	0	1	1						
Sphingobacteriales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Sphingomonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.02	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01
	2	4	3						
Sphingomonadales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.00	0.02	0.00	0.00
	1	1	1						
Spirochaetaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Staphylococcaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.01
	0	1	1						
Streptococcaceae	3.2	1.2	6.8	3.61	3.83	3.77	3.14	2.90	2.54
	8	4	4						
Streptomycetaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	0	0						
Subgroup_17_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
Subgroup_21_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Subgroup_23_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	1	3	0						
Subgroup_6_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Subgroup_9_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	1						
SubsectionIII_familyi	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1	3	0						
SubsectionII_familyii	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	2	2	2						
SubsectionIV_familyii	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
SubsectionI_familyi	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
	4	7	3						
Surface_1	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Sva0071_norank	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	3	5	1						
Sva0485_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						

Sva0725	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
	2	6	1						
Sva0996_marine_group	0.1	0.2	0.0	0.04	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01
	7	5	5						
Sva1033	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
Synergistaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Syntrophaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Syntrophobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
Syntrophomonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Syntrophorhabdaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
TA18_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
	3	1	0						
TK34	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
TK85	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	2	2	1						
TM6_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Thermoanaerobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Thiotrichaceae	0.3	0.2	0.1	0.05	0.02	0.05	0.09	0.06	0.07
	0	6	1						
Thiotrichales_thiotrichales_in certae_sedis	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Trueperaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
Unknown_Family	0.0	0.0	0.0	0.02	0.03	0.04	0.01	0.47	0.01
	5	9	4						
VC2.1_Bac22_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
	0	1	0						
VHS-B3-70	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Veillonellaceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Verrucomicrobiaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
	3	1	1						
Vibrionaceae	19.	19.	30.	10.4	10.5	19.9	36.9	45.4	35.6
	06	03	22	9	8	6	9	0	1

WCHB1-69	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
WD2101_soil_group_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Xanthobacteraceae	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Xanthomonadaceae	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01
	1	1	2						
Xanthomonadales_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
Xanthomonadales_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0						
Xanthomonadales_xanthomonadales_incertae_sedis	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
mitochondria	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
ratAN060301C	0.0	0.0	0.0	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	1						
ss1-B-07-44_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
vadinBA26_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						
vadinHA17_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0						

Table S3. Relative abundance (in %) of the sequences from biofilms on glass, PDMS and PDMS filled with 1 wt% AgNPs assigned to different genera.

Genus	GI ass -1	GI ass -2	GI ass -3	PD MS -1	PD MS -2	PD MS -3	1 wt% AgNPs- 1	1 wt% AgNPs- 2	1 wt% AgNPs- 3
	0.0	0.0	0.0						
0319-6G20_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
288-2_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
34P16_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
43F-1404R_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
ABS-19_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
AEGEAN-	0.0	0.0	0.0						
169_marine_group	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
AEGEAN-	0.0	0.0	0.0						
245_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
AKIW1012_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
AT-s3-28_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Acetobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Acholeplasma	7	1	0	0.00	0.00	0.00	0.02	0.04	0.07
	0.0	0.0	0.0						
Achromobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Acidaminococcacea	0.0	0.0	0.0						
e_uncultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Acidiferrobacter	1	3	1	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Acidimicrobiaceae_	0.1	0.1	0.0						
uncultured	0	6	4	0.02	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
Acidimicrobiales_u	0.0	0.0	0.0						
nclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Acidimicrobiales_u	0.0	0.1	0.0						
ncultured	7	1	2	0.01	0.00	0.00	0.02	0.01	0.00
Acidobacteria_nora	0.0	0.0	0.0						
nk	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.1						
Acinetobacter	5	2	0	0.05	0.02	0.01	0.04	0.02	0.01
	0.0	0.4	0.1						
Actibacter	8	8	7	0.11	0.02	0.08	0.03	0.05	0.01
Actinobacteria_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Adriatic90_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Advenella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Aequorivita	3	1	2	0.01	0.02	0.02	0.00	0.00	0.00
Aerococcaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Aerococcus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Aeromonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Afifella	1	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Agarivorans	1	0	0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Albimonas	2	1	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Alcaligenaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Alcaligenes	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Alcanivoracaceae_norank	0.0	0.0	0.0						
	8	1	5	1.16	1.36	0.68	0.00	0.00	0.05
	0.7	0.7	0.3						
Algibacter	0	2	8	1.10	0.79	1.11	0.29	0.27	0.51
	0.0	0.0	0.0						
Algimonas	0	0	0	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Algoriphagus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Aliidiomarina	0	0	0	0.03	0.01	0.03	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Alkaliphilus	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Alphaproteobacteria_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	2	1	0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Altererythrobacter	3	2	2	0.04	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00

Alteromonadaceae_	0.0	0.0	0.0						
norank	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Alteromonadaceae_	0.0	0.1	0.0						
unclassified	6	3	5	0.83	1.24	0.89	0.10	0.01	0.28
Alteromonadales_u	0.0	0.0	0.0						
nclassified	1	1	3	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Alteromonas	4	3	3	0.44	0.69	1.10	0.08	0.01	0.18
	0.0	0.0	0.0						
Amaricoccus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Amphritea	0	0	0	0.02	0.04	0.03	0.02	0.01	0.14
	0.0	0.0	0.0						
Anaerolinea	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Anaerolineaceae_u	0.0	0.0	0.0						
nclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Anaerolineaceae_u	0.0	0.0	0.0						
ncultured	1	4	1	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Anaeromyxobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Anderseniella	3	4	3	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Anoxybacillus	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Aquicella	1	2	2	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Aquimarina	0	2	4	0.07	0.01	0.07	0.00	0.00	0.00
	6.7	1.9	0.7						
Arcobacter	2	7	1	0.04	0.07	0.16	3.75	10.16	3.90
Ardenticatenales_n	0.0	0.0	0.0						
orank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ardenticatenia_unc	0.0	0.0	0.0						
ultured	0	4	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.0	0.0						
Arenibacter	8	3	6	0.12	0.17	0.18	0.00	0.00	0.12
	0.0	0.0	0.0						
Arenicella	3	6	3	0.02	0.03	0.03	0.01	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Arenimonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Armatimonadetes_n	0.0	0.0	0.0						
orank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.0	0.2						
Arthrobacter	6	7	3	0.14	0.13	0.19	0.11	0.12	0.13

	0.0	0.0	0.0						
Arthrospira	1	3	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Atopostipes	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Aurantimonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Aureicoccus	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Aureispira	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1.8	0.7	0.5						
BD1-5_norank	1	2	6	0.05	0.33	0.18	12.14	0.98	2.53
	0.0	0.0	0.0						
BD1-7_clade	0	0	0	0.02	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
BD2-									
11_terrestrial_grou	0.0	0.0	0.0						
p_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
BD2-2_norank	0	1	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
BD7-									
8_marine_group_no	0.0	0.0	0.0						
rank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
BG.g7_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
BSV26_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Bacillus	8	2	9	0.05	0.05	0.07	0.04	0.06	0.07
Bacteria_unclassifie	0.0	0.8	0.0						
d	3	5	5	0.02	0.01	0.49	0.36	0.64	0.07
Bacteriovoraceae	0.0	0.0	0.0						
_unclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Bacteriovoraceae	0.0	0.0	0.0						
_uncultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Bacteriovorax	1	0	0	9.44	7.29	3.53	0.00	0.00	0.00
Bacteroidales_uncla	0.0	0.0	0.0						
ssified	0	2	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Bacteroides	0	8	0	0.00	0.00	0.00	0.06	0.36	0.00
Bacteroidetes_uncla	0.0	0.0	0.0						
ssified	0	1	1	0.05	0.08	0.02	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Beutenbergia	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Bifidobacterium	0	1	2	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	2.6	0.2	0.3						
Bizionia	3	0	6	1.29	1.64	2.22	0.15	0.01	0.02
	0.0	0.0	0.0						
Blastocatella	2	1	0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.4	1.2	0.4						
Blastopirellula	4	3	7	0.13	0.06	0.11	0.21	0.15	0.09
	0.0	0.0	0.0						
Brevibacterium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Brevundimonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.1						
Brochothrix	8	3	3	0.10	0.09	0.07	0.06	0.04	0.05
	0.0	0.0	0.0						
Brumimicrobium	0	1	4	0.59	0.71	0.28	0.00	0.05	0.08
Burkholderiaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Bythopirellula	4	9	2	0.01	0.00	0.00	0.02	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
C1-B045	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
CA002_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	3.5	0.0						
CKC4_norank	0	0	1	0.00	0.00	0.01	2.90	1.72	0.67
Caenarcaniphilales_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Caldilineaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Caldithrix	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_BRC1_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_OD1_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_OP11_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_OP3_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_OP8_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division_SR1_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

Candidate_division	0.0	0.0	0.0						
_TM7_norank	3	6	1	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.01
Candidate_division	0.0	0.0	0.0						
_TM7_unclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidate_division	0.0	0.0	0.0						
_WS3_norank	1	1	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidatus_Amoeb	0.0	0.0	0.0						
ophilus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidatus_Compe	0.0	0.0	0.0						
tibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidatus_Endobu	0.0	0.0	0.0						
gula	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidatus_Endoec	0.0	0.0	0.0						
teinasidia	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidatus_Lariske	0.0	0.0	0.0						
lla	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Candidatus_Thiobi	0.0	0.0	0.0						
os	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Carnobacteriaceae_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	4	0	2	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Carnobacterium	3	1	5	0.01	0.02	0.03	0.02	0.01	0.03
	0.0	0.0	0.0						
Castellaniella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Catenovulum	0	0	0	0.00	0.00	0.03	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cellulophaga	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cerasicoccus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cetobacterium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Chitinophagaceae_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Chitinophagaceae_	0.0	0.0	0.0						
uncultured	0	1	0	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
Chlamydiaceae_unc	0.0	0.0	0.0						
ultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Chlamydiales_uncl	0.0	0.0	0.0						
assified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Chloroflexi_uncultu	0.0	0.0	0.0						
red	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Chromatiaceae_unc	0.0	0.0	0.0						
ultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Chryseobacterium	3	0	1	0.01	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01
Clostridiaceae_1_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Clostridiales_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	2	5	1	0.00	0.00	0.00	0.11	0.02	0.02
	0.0	0.0	0.2						
Clostridiisalibacter	8	6	2	0.00	0.00	0.00	0.02	0.03	0.00
Clostridium_sensu_stricto_1	0.0	0.0	0.0						
	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Clostridium_sensu_stricto_17	3.5	0.2	0.6						
	7	5	7	0.00	0.00	0.00	0.09	0.22	0.00
Clostridium_sensu_stricto_18	0.0	0.0	0.0						
	4	1	2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Clostridium_sensu_stricto_5	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Clostridium_sensu_stricto_7	0.0	0.0	0.0						
	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cobetia	0	0	5	0.00	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cocleimonas	1	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cohaesibacter	1	2	0	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00	0.02
	0.0	0.0	0.0						
Colwellia	1	0	1	0.70	0.57	1.35	0.01	0.01	0.03
Colwelliaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	1	0.07	0.04	0.16	0.00	0.01	0.01
Comamonadaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Comamonas	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Congregibacter	0	0	1	0.03	0.02	0.02	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Corynebacterium	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Coxiella	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Coxiellaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Crenothrix	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Croceibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Crocinitomix	1	1	1	0.04	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cryomorpha	0	0	1	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Cryomorphaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	2	2	0	0.41	0.61	0.09	0.00	0.01	0.01
Cryomorphaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	2	0	0.02	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Cyanobacteria_norank	0.0	0.0	0.0						
	6	8	4	0.01	0.02	0.03	0.01	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cyclobacterium	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Cycloclasticus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Cytophagaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Cytophagaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Cytophagales_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.1	0.1						
DB1-14_norank	4	3	2	0.01	0.03	0.07	0.05	0.05	0.03
	0.0	0.0	0.0						
DEV007_norank	2	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Dasania	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Defluviicoccus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Defluviitaleaceae_uncultured	0.3	0.0	0.0						
	2	4	0	0.00	0.00	0.00	0.08	0.04	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Deinococcus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Deltaproteobacteria_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Denitromonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Desulfarculaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Desulfobacteraceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Desulfobacteraceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Desulfobulbaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

Desulfobulbaceae_	0.0	0.0	0.0						
uncultured	3	7	4	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Desulfobulbus	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Desulfococcus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Desulfomonile	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Desulforhabdus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Desulforhopalus	0	1	1	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Desulfosarcina	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Dethiosulfatibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Devosia	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Dietzia	0	0	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Dokdonia	1	1	1	0.02	0.01	0.01	0.00	0.00	0.01
E01-9C-									
26_marine_group_n	0.0	0.0	0.0						
orank	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
EC3_norank	2	6	1	0.00	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00
EV818SWSAP88_	0.0	0.0	0.0						
norank	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ectothiorhodospirac	0.0	0.0	0.0						
eae_unclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Ekhidna	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
Elev-16S-	0.0	0.0	0.0						
1332_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Empedobacter	0	0	1	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Endozoicomonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.1						
Enhydrobacter	4	5	1	0.03	0.06	0.05	0.05	0.03	0.05
	0.0	0.0	0.0						
Enhygromyxa	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

Enterobacteriaceae_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	6	3	4	0.03	0.01	0.03	0.04	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Enterococcus	4	1	6	0.01	0.03	0.03	0.02	0.04	0.04
	0.0	0.0	0.0						
Epilithonimonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Erysipelotrichaceae	0.0	0.0	0.0						
_uncultured	0	5	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
	0.3	0.3	0.2						
Erythrobacter	5	7	6	0.23	0.23	0.19	0.11	0.03	0.05
Erythrobacteraceae	0.1	0.1	0.0						
_unclassified	8	3	9	0.02	0.01	0.03	0.02	0.02	0.01
	0.0	0.1	0.0						
Eudoraea	4	5	4	0.06	0.00	0.01	0.01	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Euzebyella	0	0	0	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Exiguobacterium	2	3	5	0.00	0.00	0.00	0.02	0.04	0.02
FS117-23B-	0.0	0.0	0.0						
02_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Fabibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Facklamia	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Family_XIII_uncult	0.0	0.0	0.0						
ured	4	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Family_XII_unclas	0.0	0.0	0.0						
sified	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
Family_XI_uncultu	0.0	0.0	0.0						
red	0	5	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Ferrimonas	6	2	1	0.02	0.01	0.06	0.01	0.04	0.03
Fibrobacteraceae_u	0.0	0.0	0.0						
ncultured	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.1	0.0						
Filomicrobium	6	0	2	0.01	0.01	0.02	0.01	0.00	0.01
	0.1	0.2	0.1						
Flagellimonas	1	0	9	0.31	0.22	0.34	0.03	0.01	0.03
	0.0	0.0	0.0						
Flammeovirga	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Flammeovirgaceae_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Flammeovirgaceae_	0.0	0.1	0.0						
uncultured	2	3	6	0.01	0.00	0.02	0.00	0.01	0.02

Flavobacteriaceae_	2.4	5.2	2.3						
unclassified	6	3	6	6.34	4.21	5.68	0.86	0.75	2.24
Flavobacteriaceae_	0.4	0.9	0.8						
uncultured	1	1	6	2.47	3.07	1.22	0.51	0.63	1.28
Flavobacteriales_un	0.0	0.0	0.0						
classified	0	0	0	0.08	0.05	0.00	0.00	0.00	0.01
	0.4	0.0	0.2						
Flavobacterium	5	4	6	1.91	1.94	1.16	0.09	0.04	0.23
	0.0	0.0	0.0						
Fluviicola	1	2	0	0.02	0.00	0.01	0.01	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Francisella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Fulvivirga	2	5	5	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01
	3.8	13.	3.5						
Fusibacter	4	93	1	0.01	0.00	0.01	8.23	18.18	7.42
	0.0	0.0	0.0						
Fusobacterium	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
GIF3_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
GIF9_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
GR-WP33-	0.0	0.0	0.0						
30_norank	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
GR-WP33-	0.0	0.0	0.0						
58_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Gaetbulibacter	3	4	4	0.14	0.11	0.14	0.00	0.01	0.03
	0.0	0.0	0.0						
Gaiella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Gaiellales_uncultur	0.0	0.0	0.0						
ed	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Gammaproteobacte	0.0	0.1	0.0						
ria_unclassified	5	3	3	0.15	0.09	0.11	0.01	0.00	0.01
	1.7	0.0	2.8						
Gangjinia	1	6	3	0.66	0.82	0.89	0.77	0.06	6.08
	0.0	0.0	0.0						
Gelidibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Gelria	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Gemmatimonadace	0.0	0.0	0.0						
ae_uncultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Geobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Gilvibacter	0	1	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Gordonia	5	1	1	0.01	0.02	0.02	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Gramella	1	1	1	0.02	0.01	0.03	0.01	0.01	0.02
	0.1	0.0	0.0						
Granulosicoccus	0	8	7	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
HOC36_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Haliangium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Haliea	2	5	4	0.09	0.04	0.05	0.01	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Halioglobus	0	0	0	0.02	0.01	0.02	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Haloferula	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.3	0.2	0.1						
Halomonas	9	4	1	0.04	0.04	0.03	0.02	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Haloplasma	0	3	2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Helcococcus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.1	0.0						
Hoeflea	2	8	4	0.03	0.03	0.04	0.04	0.01	0.03
Holosporaceae_uncultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Hydrogenophaga	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Hydrotalea	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Hyphomicrobiaceae_unclassified	1	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Hyphomicrobiaceae_uncultured	0	2	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Hyphomonadaceae_unclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Hyphomonadaceae_uncultured	3	3	0	0.05	0.02	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Hyphomonas	0	0	0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Idiomarina	8	1	5	0.85	0.68	0.72	0.01	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Ignavibacterium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.5	0.1						
Ilumatobacter	6	3	0	0.03	0.02	0.03	0.05	0.01	0.01
JG30-KF-	0.0	0.0	0.0						
CM45_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
JG30-KF-	0.0	0.0	0.0						
CM66_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
JTB215_norank	0	6	0	0.00	0.00	0.00	0.03	0.05	0.00
JTB255_marine_be	0.2	0.3	0.1						
nthic_group_norank	3	0	4	0.05	0.06	0.08	0.03	0.06	0.02
	0.0	0.0	0.0						
Janthinobacterium	1	0	5	0.01	0.03	0.02	0.00	0.02	0.00
KI89A_clade_nora	0.0	0.0	0.0						
nk	1	2	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Kazan-2B-	0.0	0.0	0.0						
17_norank	4	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Kordia	0	0	0	0.01	0.02	0.02	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
LD1-PA26_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
LD1-PA34_norank	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
LD1-PB3_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
LWSR-14_norank	1	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Lachnospiraceae_u	0.0	0.0	0.0						
nclassified	0	4	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
Lachnospiraceae_u	0.0	0.0	0.0						
ncultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Lactobacillus	2	1	3	0.02	0.02	0.03	0.01	0.02	0.01
	3.1	1.1	6.6						
Lactococcus	6	2	1	3.50	3.75	3.68	3.04	2.81	2.46
	0.0	0.0	0.0						
Leadbetterella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Legionella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Legionellaceae_unc	0.0	0.0	0.0						
lassified	1	2	2	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Legionellaceae_unc	0.0	0.0	0.0						
ultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Lentimonas	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Lentisphaera	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Lentisphaerae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Leptobacterium	2	2	7	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Leptolinea	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Leptospiraceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Leptotrichiaceae_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	1	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
Leptotrichiaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Leucobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.0	0.2						
Leuconostoc	1	3	2	0.04	0.07	0.10	0.06	0.12	0.06
	0.1	0.1	0.0						
Leucothrix	5	7	6	0.03	0.02	0.04	0.05	0.03	0.04
	0.0	0.0	0.0						
Lewinella	2	1	1	0.03	0.02	0.05	0.00	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Limibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Limnobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Lineage_I_(Endomicrobia)_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Loktanella	1	6	1	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Longilinea	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Luminiphilus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Luteivirga	0	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.2	6.4	0.4						
Lutibacter	6	7	5	1.41	0.79	1.90	0.86	0.82	0.64
	0.0	0.0	0.0						
Lutispora	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Lysobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

M2PB4-										
65_termite_group_	0.0	0.0	0.0							
norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0							
MBAE14_norank	0	0	0	0.03	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0							
ML-AsS-8	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
MSB-										
3A7_sediment_gro	0.0	0.0	0.0							
up_norank	0	0	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.0	0.1							
Mangrovimonas	1	0	9	0.04	0.08	0.07	0.00	0.00	0.00	0.01
	0.2	0.3	0.1							
Maribacter	3	1	3	0.23	0.10	0.29	0.15	0.05	0.13	
Marine_Methyltro	0.0	0.0	0.0							
phic_Group_3	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.2	0.6	0.1							
Marinicella	1	0	9	0.24	0.09	0.10	0.02	0.04	0.03	
	0.2	0.5	0.2							
Marinifilum	6	2	0	0.03	0.03	0.05	0.12	0.25	0.09	
Marinilabiaceae_un	0.0	0.5	0.1							
cultured	1	4	2	0.01	0.01	0.02	0.11	0.48	0.09	
	0.0	0.1	0.0							
Marinobacter	5	7	2	0.90	1.31	1.20	0.01	0.00	0.01	
	3.8	0.8	2.0							
Marinobacterium	9	0	0	0.17	0.24	0.43	1.68	0.06	0.66	
	0.3	0.3	0.1							
Marinomonas	8	1	3	0.26	0.29	0.39	0.92	0.22	1.19	
Marinosulfonomon	0.0	0.0	0.1							
as	9	8	1	0.06	0.04	0.05	0.01	0.00	0.01	
	0.0	0.0	0.0							
Maritalea	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.2	0.1							
Maritimimonas	4	4	2	0.11	0.03	0.05	0.03	0.01	0.03	
	0.1	0.1	0.0							
Marivita	4	8	8	0.04	0.02	0.04	0.05	0.02	0.02	
	0.0	0.0	0.0							
Marixanthomonas	3	1	5	0.02	0.02	0.03	0.01	0.01	0.00	
	0.0	0.0	0.0							
Marteleva	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	2.9	0.4	1.8							
Mesoflavibacter	8	6	8	2.41	1.86	2.42	0.67	0.12	8.00	
	0.0	0.0	0.0							
Mesonia	0	1	3	0.05	0.07	0.08	0.00	0.00	0.00	

	0.0	0.0	0.0						
Methylobacterium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Methylocaldum	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.1						
Methylophaga	6	3	1	0.28	0.42	0.36	0.09	0.01	0.32
	0.2	0.2	0.1						
Methylotenera	6	1	6	0.09	0.13	0.09	0.08	0.04	0.06
Microbacteriaceae_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Microbacterium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Microbulbifer	0	0	1	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Milano-WF1B-	0.0	0.0	0.0						
44_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Mogibacterium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Mollicutes_unclasi	0.0	0.0	0.0						
fied	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Moritella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.1						
Muricauda	7	9	5	0.13	0.18	0.25	0.02	0.03	0.03
	0.0	0.0	0.0						
Mycobacterium	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Mycoplasma	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.1						
Myroides	7	1	8	0.06	0.04	0.08	0.09	0.11	0.05
Myxococcales_uncl	0.0	0.0	0.0						
assified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Myxococcales_unc	0.0	0.0	0.0						
ultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
NB-1d_norank	0	0	0	0.07	0.08	0.12	0.02	0.01	0.04
	0.0	0.0	0.0						
NB1-n_norank	0	3	0	0.00	0.00	0.00	0.03	0.10	0.05
	0.0	0.0	0.0						
NKB5_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
NS10_marine_grou	0.0	0.0	0.0						
p	0	0	0	0.01	0.05	0.67	0.00	0.00	0.07

NS11-												
12_marine_group_norank	0.0	0.0	0.0	0	1	1	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
NS3a_marine_group	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NS4_marine_group	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NS5_marine_group	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NS72_norank	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NS7_marine_group_norank	0.0	0.0	0.0	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
NS9_marine_group_norank	0.0	0.0	0.0	0	2	1	0.02	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Nannocystaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nannocystaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nannocystis	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Neptuniibacter	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.22
Neptunomonas	1.3	0.3	0.0	1	3	1	0.08	0.09	0.05	5.95	1.39	3.48
Nitratireductor	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
Nitrosomonadaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nitrosomonas	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nitrospinaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nitrospira	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Nocardioides	0.0	0.0	0.0	0	0	0	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Nonlabens	7.0	1.0	3.0	0.09	0.08	0.08	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.03
OCS116_clade_norank	0.0	0.0	0.0	7	5	3	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.01
OM190_norank	0.0	0.1	0.0	4	6	4	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01

	0.0	0.0	0.0						
OM1_clade_norank	5	9	2	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
OM27_clade	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
OM60(NOR5)_clade	0.0	0.1	0.0						
	3	0	4	0.03	0.02	0.02	0.01	0.01	0.03
	0.0	0.0	0.0						
OPB56_norank	3	5	2	0.03	0.02	0.01	0.01	0.01	0.02
	0.0	0.0	0.0						
Oceanicella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.2	0.0						
Oceanimonas	0	1	1	0.00	0.00	0.00	0.07	0.05	0.15
	0.0	0.0	0.0						
Oceaniovalibus	1	1	1	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.1	0.0						
Oceanisphaera	0	4	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Oceanospirillaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	5	0	9	0.59	1.17	0.70	0.00	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Ochrobactrum	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Oleispira	1	0	7	1.06	0.76	0.95	0.04	0.00	0.00
Oligosphaerales_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Opitutae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Ornatilinea	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Ornithinimicrobium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Ornithobacterium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Owenweeksia	1	2	7	0.50	0.46	0.81	0.03	0.00	0.22
	0.0	0.0	0.0						
PAUC26f_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
PAUC43f_marine_benthic_group_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	2	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
PHOS-HE36_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
PHOS-HE51_norank	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

Paenibacillaceae_u	0.0	0.0	0.0						
nclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Paenibacillus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Paracoccus	6	4	5	0.05	0.12	0.06	0.01	0.00	0.02
	0.0	0.0	0.0						
Paramoritella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Parasphingopyxis	1	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Parvularcula	2	1	1	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
PeM15_norank	1	2	2	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Pedobacter	0	0	0	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Pelagibacterium	0	3	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
Peptostreptococcac	0.0	0.2	0.0						
eae_incertae_sedis	4	1	7	0.00	0.00	0.01	0.03	0.37	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Peredibacter	0	1	0	0.19	0.14	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Perlucidibaca	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Persicirhabdus	2	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.1						
Persicobacter	4	6	1	0.00	0.01	0.00	0.00	0.02	0.04
	0.3	0.1	0.0						
Phaeobacter	8	0	9	0.11	0.10	0.31	0.02	0.01	0.03
Phascolarctobacteri	0.0	0.0	0.0						
um	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Phormidium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.1	0.0						
Photobacterium	2	1	1	0.02	0.01	0.01	0.01	0.01	0.16
	0.0	0.0	0.0						
Phycisphaera	0	1	1	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
Phyllobacteriaceae_u	0.0	0.0	0.0						
nclassified	2	3	2	0.01	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Phyllobacteriaceae_u	0.0	0.0	0.0						
uncultured	7	6	4	0.00	0.00	0.00	0.08	0.02	0.03
	0.0	0.1	0.0						
Pir4_lineage	6	4	4	0.01	0.00	0.01	0.02	0.01	0.01

	0.0	0.1	0.0						
Pirellula	7	8	5	0.03	0.02	0.02	0.03	0.01	0.01
Piscirickettsiaceae_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	1	1	2	0.05	0.05	0.04	0.01	0.00	0.04
Piscirickettsiaceae_	0.0	0.0	0.0						
uncultured	0	0	0	0.01	0.02	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.3	0.7	0.3						
Planctomyces	6	8	1	0.09	0.06	0.09	0.18	0.17	0.10
Planctomycetaceae	0.0	0.0	0.0						
_unclassified	3	5	2	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
Planctomycetaceae	0.0	0.0	0.0						
_uncultured	0	1	2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Planctomycetes_un	0.0	0.0	0.0						
classified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	1.3	2.3	1.8						
Planktotalea	5	6	4	0.87	0.87	1.00	0.35	0.23	0.39
Planococcaceae_un	0.0	0.0	0.0						
classified	2	5	5	0.03	0.04	0.04	0.05	0.03	0.02
	0.0	0.0	0.0						
Pleurocapsa	2	2	2	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Polaribacter	4	6	2	0.09	0.13	0.16	0.02	0.03	0.03
	0.0	0.0	0.0						
Polaromonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Porphyromonadace	0.0	0.0	0.0						
ae_uncultured	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Porphyromonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Portibacter	1	4	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.02	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Porticoccus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Prevotella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Prevotellaceae_unc	0.0	0.0	0.0						
ultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.2	0.0						
Profundibacterium	9	8	7	0.02	0.01	0.01	0.02	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Prolixibacter	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.47	0.00
Propionibacteriacea	0.0	0.0	0.0						
e_uncultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Propionibacterium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Propioniciclava	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.3	0.0						
Propionigenium	9	7	1	0.01	0.00	0.00	0.02	0.01	0.01
	0.7	2.8	0.5						
Proteiniclasticum	8	0	4	0.01	0.00	0.01	1.22	0.65	0.24
Proteobacteria_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.1	0.0						
Pseudahrensia	8	3	5	0.01	0.02	0.01	0.08	0.06	0.02
Pseudoalteromonadaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.02	0.02	0.01	0.00	0.00	0.00
	21.	8.4	22.	20.1	24.9	15.9			
Pseudoalteromonas	83	0	92	3	7	2	9.91	6.95	13.28
	0.0	0.0	0.0						
Pseudolabrys	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Pseudomericurvus	0	0	0	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.6	0.2	1.0						
Pseudomonas	0	3	3	0.64	0.67	0.53	0.72	0.40	0.45
	0.0	0.0	0.0						
Pseudonocardia	1	0	0	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Pseudorhodobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.2	0.0	0.1						
Pseudovibrio	3	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Pseudoxanthomonas	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Psychrilyobacter	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.2	1.6	0.3						
Psychrobacter	0	0	8	0.40	0.38	0.32	0.23	0.07	0.23
	0.0	0.0	0.0						
Psychroflexus	1	0	2	0.01	0.01	0.02	0.04	0.00	0.26
	0.0	0.0	0.0						
Psychromonas	0	2	3	0.01	0.00	0.04	0.01	0.01	0.00
	0.5	0.4	0.5						
Psychroserpens	6	6	4	1.08	0.77	1.08	0.26	0.14	0.61
	0.0	0.0	0.0						
R76-B128_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
RB41_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
RF9_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.03	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Rahnella	2	2	4	0.04	0.03	0.02	0.04	0.02	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Ralstonia	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Reichenbachiella	0	1	1	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Reinekea	0	0	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Rhizobiaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Rhizobiales_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Rhizobiales_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Rhodobacteraceae_unclassified	1.6	3.7	1.4						
	2	5	9	1.00	0.73	0.78	0.28	0.24	0.25
Rhodobacteraceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	3	7	3	0.01	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Rhodobium	2	5	0	0.02	0.00	0.02	0.00	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Rhodococcus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.3	0.9	0.3						
Rhodopirellula	1	2	2	0.10	0.07	0.05	0.10	0.14	0.07
Rhodospirillaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	1	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Rhodospirillales_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Rhodothermaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Rhodovulum	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Rickettsia	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Rickettsiaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Rickettsiales_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Rivularia	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Robiginitalea	0	2	1	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Robiginitomaculum	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Roseburia	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Roseibacillus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Roseobacter_clade_	0.1	0.1	0.0						
NAC11-7_lineage	0	4	7	0.05	0.01	0.03	0.02	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Roseomonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Roseovarius	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Rubidimonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Rubricoccus	1	1	0	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Rubritalea	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Rubrivirga	2	2	2	0.07	0.03	0.04	0.00	0.01	0.00
	0.9	2.8	1.5						
Ruegeria	2	0	1	0.93	0.61	0.65	0.18	0.15	0.13
Ruminococcaceae_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ruminococcaceae_	0.0	0.0	0.0						
uncultured	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Run-SP154_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
SAR324_clade(Mar									
ine_group_B)_nora	0.0	0.0	0.0						
nk	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.4	0.0						
SB-1_norank	2	2	6	0.02	0.00	0.01	0.00	0.10	0.00
	0.0	0.0	0.0						
SB-5_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
SB1-18_norank	0	0	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
SC3-20_norank	1	1	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
SEEP-SRB1	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
SHA-109_norank	2	1	1	0.00	0.00	0.00	0.02	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
SJA-28_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
SM1A02	0	1	0	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
SM2D12_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
SPOTSOCT00m83	0.0	0.0	0.0						
_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
SS1-B-03-	0.0	0.0	0.0						
39_norank	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
SS1-B-06-	0.0	0.0	0.0						
26_norank	1	3	1	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
SWB04_norank	1	2	1	0.01	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
SZB30_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.4	0.2	0.3						
Salegentibacter	0	3	8	0.48	0.37	0.62	0.25	0.21	0.66
	0.0	0.0	0.0						
Salinicoccus	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.01
	0.1	0.0	0.1						
Salinimicrobium	6	3	1	0.00	0.02	0.03	0.06	0.01	0.03
	0.0	0.0	0.0						
Salinirepens	1	6	0	0.29	0.12	0.03	0.00	0.01	0.03
Sandaracinaceae_n	0.0	0.0	0.0						
orank	2	4	0	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00
Sandaracinaceae_u	0.0	0.0	0.0						
nclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sandaracinus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Saprospira	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Saprospiraceae_unc	0.0	0.0	0.0						
lassified	0	1	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
Saprospiraceae_unc	0.1	0.2	0.1						
ultured	4	3	0	0.07	0.03	0.07	0.02	0.03	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Schleiferia	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sedimentibacter	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sediminibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Sh765B-TzT-	0.0	0.0	0.0						
29_norank	2	3	2	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01	0.00
	0.3	0.2	0.1						
Shewanella	1	9	0	0.68	0.91	1.59	0.07	0.03	0.04

	0.0	0.0	0.0						
Simiduia	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Skagenf62_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Smithella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Solibacillus	5	0	6	0.01	0.05	0.06	0.04	0.03	0.03
	0.0	0.0	0.0						
Solirubrobacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Sphingobacteriales_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sphingobacterium	0	1	1	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Sphingobium	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sphingomicrobium	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Sphingomonadacea	0.0	0.0	0.0						
e_unclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Sphingomonadacea	0.0	0.0	0.0						
e_uncultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Sphingomonadales_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	1	1	1	0.01	0.01	0.00	0.02	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sphingomonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sphingorhabdus	0	2	2	0.02	0.03	0.01	0.01	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Spirochaeta	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Spirochaetaceae_un	0.0	0.0	0.0						
cultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Spongiibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Staphylococcus	0	0	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Stappia	0	0	0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Stenotrophomonas	0	0	1	0.00	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01
	0.1	0.1	0.2						
Streptococcus	2	2	2	0.11	0.09	0.09	0.10	0.10	0.08
	0.0	0.0	0.0						
Streptomyces	1	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

Subgroup_17_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Subgroup_21_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Subgroup_23_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00
Subgroup_6_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Subgroup_9_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
SubsectionI_FamilyI_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
SubsectionI_FamilyI_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
SubsectionI_FamilyI_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
	0.3	0.4	0.1						
Sulfitobacter	1	4	8	0.23	0.21	0.22	0.07	0.04	0.04
	0.0	0.1	0.0						
Sulfurovum	4	1	2	0.01	0.00	0.01	0.00	0.01	0.01
	0.5	0.6	0.6						
Sunxiuqinia	2	2	0	0.00	0.02	0.01	0.16	0.50	0.06
	0.0	0.0	0.0						
Surface_1_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sva0071_norank	3	5	1	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
Sva0081_sediment_group	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sva0485_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Sva0725_norank	2	6	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
Sva0996_marine_group_norank	0.1	0.2	0.0	0.04	0.01	0.02	0.01	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
Sva1033_norank	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Synechococcus	2	6	2	0.01	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
Synergistaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Syntrophaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Syntrophobacteraceae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0	1	0	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Syntrophomonas	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Syntrophorhabdus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Syntrophus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
TA18_norank	3	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01
	0.0	0.0	0.0						
TK34_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
TK85_norank	2	2	1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
TM6_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Taibaiella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	2.7	1.1	3.7	15.0	15.1	13.6			
Tenacibaculum	5	7	9	5	6	7	1.16	0.39	0.86
	0.1	0.0	0.0						
Tepidibacter	6	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Tepidiphilus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Thalassolituus	0	0	0	0.01	0.03	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Thalassomonas	0	2	0	0.03	0.04	0.08	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Thalassospira	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.03
	0.0	0.0	0.0						
Thauera	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Thermonema	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Thiobacillus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Thiohalophilus	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.1	0.0	0.0						
Thiothrix	3	8	5	0.02	0.00	0.01	0.05	0.03	0.03
Thiotrichaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0						
	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Treponema	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Truepera	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

	0.0	0.0	0.0						
Tumebacillus	1	1	1	0.01	0.01	0.01	0.01	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Turicibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Ulvibacter	2	4	1	0.01	0.01	0.00	0.01	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Umboniibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Urania-1B-19_marine_sediment_group	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Uruburuella	1	1	0	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00	0.00
VC2.1_Bac22_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
VHS-B3-70_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Vagococcus	2	1	1	0.00	0.00	0.00	0.01	0.01	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Vallitalea	0	3	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.01	0.00
Veillonellaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Verrucomicrobiae_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Verrucomicrobiae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Vibrio	19.05	18.91	30.20	10.47	10.57	19.95	36.98	45.38	35.45
Vibrionaceae_unclassified	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Vibrionaceae_uncultured	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Vitellibacter	2.0	0.0	0.0	0.02	0.03	0.04	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
WCHB1-69_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
WD2101_soil_group_norank	0.0	0.0	0.0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Weissella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.8	0.5	0.8						
Winogradskyella	4	4	9	2.13	1.62	2.07	0.63	0.25	0.73

Xanthomonadaceae	0.0	0.0	0.0						
_unclassified	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Xanthomonadaceae	0.0	0.0	0.0						
_uncultured	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Xanthomonadales_	0.0	0.0	0.0						
unclassified	0	0	0	0.01	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
Xanthomonadales_	0.0	0.0	0.0						
uncultured	0	1	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Zeaxanthinibacter	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
Zhangella	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
mitochondria_noran	0.0	0.0	0.0						
k	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
ratAN060301C_nor	0.0	0.0	0.0						
ank	0	0	1	0.00	0.01	0.00	0.00	0.00	0.00
ss1-B-07-	0.0	0.0	0.0						
44_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
vadinBA26_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
	0.0	0.0	0.0						
vadinHA17_norank	0	0	0	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
