

**A**

1        10        20        30        40        50        60        70        80  
 |-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|-----|

seq1    TTTTCGCGTCTGCGGGTCTCGGAGTGTGGTACTTCTCCTAGTTGCAGTCAGGCTTCATACGCTGTGTCTCTGCCCGT  
 seq2    CTTTCGCGTCTGCGGGTCTCGGAGTGTGGTACTTCTCCTAGTTGCAGTCAGGCTTCATACGCTGTGTCTCTGCCCGT  
 seq3    TTTTCGCGTCTGCGGGTCTCGGAGTGTGGTACTTCTCCTAGTTGCAGTCAGGCTTCATACGCTGTGTCTCTGCCCGT  
 seq4    TTTTCTTTTCGCGTNTGCGGGTCCCGGAGTGTGGTACTTCTCCTAGTTGCAGTCAGGCTTCATACGCTACTGTCTCTGCCCGT  
*ZFAS1* CTTTCGCGTCTGCGGGTCTCGGAGTGTGGTACTTCTCCTAGTTGCAGTCAGGCTTCATACGCTATTGTCTCTGCCCGT  
 Consensus cTTTCGCGTcTGC GG TGcTCGGAGTGTGGTACTTCTCCTAGTTGCAGTCAGGCTTCATACGCTgtGTCTCTGCCCGT

**B**