

Gene-expression analysis of gleason grade 3 tumor glands embedded in low- and high-risk prostate cancer

Supplementary Materials

Supplementary Table S1: List of genes over-expressed in Gleason grade 3 tumor glands being part of a Gleason score 4 + 3 = 7 as compared to Gleason score 3 + 3 = 6

Gene	logFC	logCPM	p-value
GLYATL3	-9,36	-1,72	0,00
CDC20B	-8,71	-2,86	0,00
ZIC1	-8,53	-3,48	0,00
COX7B2	-8,11	-3,01	0,00
HORMAD2	-8,07	-4,04	0,00
ENTHD1	-7,95	-4,03	0,00
FEZF2	-7,62	-4,74	0,00
IBSP	-7,39	-4,95	0,01
DYTN	-7,39	-4,68	0,00
MAGEC2	-7,36	-4,69	0,00
OR8A1	-7,16	-4,17	0,00
SLC17A4	-7,16	-3,74	0,00
NXPH1	-7,12	-5,02	0,00
PDIA2	-7,03	-4,78	0,00
PNLIPRP3	-6,98	-4,17	0,00
ZIC4	-6,88	-5,05	0,01
CYP1A2	-6,88	-4,23	0,00
OR8D1	-6,78	-4,47	0,00
HOXC13	-6,47	-4,68	0,00
CREG2	-6,46	-0,56	0,00
CHODL-AS1	-6,40	-4,77	0,01
OR52N2	-6,40	-5,10	0,00
DMP1	-6,33	-5,91	0,04
LILRA4	-6,25	-5,74	0,01
MUC6	-6,25	1,69	0,00
PTX4	-6,23	-2,38	0,00
AFP	-6,17	-5,24	0,01
CCDC144NL	-6,17	-5,67	0,01
TAG	-6,17	-5,16	0,01
CEACAM7	-5,99	-5,49	0,01
SPATA21	-5,99	-5,47	0,00
KCNH7	-5,98	-0,12	0,00
ANKUB1	-5,89	-6,08	0,04
PADI3	-5,89	-5,43	0,02
MUC21	-5,89	-5,60	0,01
ANKRD30A	-5,89	-1,77	0,00

KLRC2	-5,79	-6,23	0,04
H1FNT	-5,79	-6,07	0,03
PLA2G4B	-5,79	-5,85	0,02
MAGEC1	-5,79	-5,71	0,02
PPP1R42	-5,79	-5,77	0,01
DIRAS2	-5,77	-3,18	0,00
FGF20	-5,68	-6,27	0,05
OR8G5	-5,68	-5,55	0,02
TPTE	-5,68	-5,55	0,02
GCM1	-5,68	-5,85	0,02
RGS6	-5,68	-5,31	0,01
KCNV1	-5,55	-5,68	0,02
SSX1	-5,55	-5,68	0,02
INSL3	-5,55	-6,19	0,02
RPRML	-5,55	-5,66	0,01
CNPY1	-5,42	-5,83	0,03
IL36RN	-5,42	-6,01	0,03
BARX1	-5,42	-5,65	0,02
LHX2	-5,42	-5,96	0,01
MAGEA8	-5,32	-3,54	0,00
HNFI1A-AS1	-5,27	-6,09	0,05
DCAF4L2	-5,27	-5,99	0,04
DHH	-5,27	-6,06	0,03
INSL6	-5,27	-5,69	0,03
ABRA	-5,27	-5,94	0,01
TNNI3	-5,10	-6,18	0,05
CHRM4	-5,10	-6,64	0,04
TRPC3	-5,10	-6,55	0,04
KRT73	-5,10	-6,16	0,04
TDO2	-5,10	-1,44	0,00
NETO1	-5,02	-2,70	0,00
PPP3R2	-5,02	-2,73	0,00
CFHR4	-4,92	-6,54	0,05
IL9R	-4,92	-6,33	0,04
FAM92B	-4,92	-6,68	0,03
IFNG	-4,92	-6,64	0,02
TUBA4B	-4,80	-4,78	0,01
WDR72	-4,78	-2,60	0,00
TRDN	-4,78	-2,27	0,00
PRRG3	-4,70	-6,16	0,03
GRIK4	-4,66	-4,41	0,01
LY6D	-4,58	-1,75	0,00
SLC4A8	-4,49	-3,19	0,00
HSPA6	-4,46	-1,21	0,00
CNTNAP5	-4,45	-5,14	0,01
CYP11A1	-4,45	-4,42	0,00

LRRIQ4	-4,39	-5,32	0,03
PROK2	-4,39	-4,21	0,00
ACCN1	-4,38	-4,59	0,00
MYT1	-4,31	-4,33	0,00
METTL7B	-4,28	-3,31	0,00
ZNF804B	-4,26	-3,53	0,00
OLFM4	-4,25	4,36	0,00
OMD	-4,23	1,41	0,00
TDRD9	-4,19	-3,40	0,01
KLK14	-4,13	-2,40	0,00
SLC18A3	-4,13	-5,55	0,04
TULP2	-4,08	-2,96	0,00
ZIC5	-4,08	-1,00	0,00
ATP12A	-4,05	-5,46	0,02
LINC00307	-3,98	-5,02	0,01
GABRA2	-3,98	-5,33	0,00
TTC29	-3,96	-4,82	0,00
HAVCR1	-3,90	-5,02	0,01
SLC13A1	-3,81	-4,95	0,01
ACSM5	-3,81	-5,28	0,00
POU5F1P4	-3,80	-2,14	0,01
XIRP1	-3,77	-4,69	0,00
HAO1	-3,70	-1,96	0,00
PHOSPHO1	-3,62	-5,40	0,03
HOXB7	-3,54	-4,46	0,01
SLC6A17	-3,50	-1,07	0,00
PON1	-3,49	0,43	0,00
KRTAP13-2	-3,48	-0,42	0,01
SLC6A15	-3,42	-1,73	0,00
RHCG	-3,38	-4,20	0,01
CA1	-3,38	-4,08	0,02
EFNA2	-3,36	-3,90	0,00
DLEU7	-3,35	-4,29	0,03
KRT2	-3,34	-4,42	0,00
IGSF21	-3,32	-0,02	0,01
SLC6A20	-3,28	-5,27	0,02
FAM176A	-3,28	-4,80	0,00
CXCL9	-3,25	1,72	0,00
DSCAM-AS1	-3,22	-0,86	0,00
HIST1H2AB	-3,14	-6,05	0,04
CDHR4	-3,13	-5,15	0,05
HOXB9	-3,12	-2,48	0,01
PLAT	-3,12	2,65	0,00
FGF12	-3,11	0,59	0,00
HCN4	-3,07	-4,97	0,01
MKRN3	-3,06	-3,18	0,01
KRT13	-3,06	0,95	0,01

NBEAP1	-3,06	0,82	0,00
KIAA1239	-3,06	-4,56	0,05
DNAH3	-3,05	-3,15	0,01
ZIC2	-3,05	-0,64	0,00
SCML4	-3,02	-4,32	0,01
UNC5A	-3,00	0,91	0,00
DDC	-2,98	-2,65	0,00
TMEM63C	-2,97	-2,26	0,03
HOGA1	-2,97	-5,28	0,01
FOXN4	-2,96	-3,50	0,04
PCDHB3	-2,96	1,18	0,00
ZNF536	-2,94	-3,29	0,00
GRIN3A	-2,92	2,08	0,00
CXCR2	-2,88	-5,35	0,02
SLC22A14	-2,88	-5,21	0,02
FOXS1	-2,85	-4,44	0,01
TMPRSS4	-2,84	-1,80	0,01
TNNT1	-2,83	-4,43	0,01
CXCL6	-2,82	-3,61	0,00
SLPI	-2,82	-0,54	0,00
ST6GALNAC5	-2,80	-0,56	0,00
SLC22A10	-2,79	-2,13	0,00
IL12RB1	-2,78	-4,38	0,04
BMX	-2,78	-4,59	0,01
B3GALT5	-2,77	-3,97	0,03
GPR158	-2,76	0,70	0,00
NMNAT2	-2,76	-0,30	0,00
DCLK1	-2,76	0,76	0,00
HOXC4	-2,72	-0,44	0,00
SI	-2,68	2,37	0,00
CA4	-2,68	-3,83	0,01
WNT10B	-2,67	-5,59	0,01
NLGN4X	-2,65	0,14	0,04
KRT4	-2,63	-1,89	0,02
VWA7	-2,61	-3,10	0,00
PAX1	-2,60	-3,47	0,04
CES3	-2,59	-1,37	0,00
UTS2D	-2,58	-2,13	0,02
DHRS2	-2,57	-3,62	0,00
TEKT1	-2,57	-4,93	0,03
HAL	-2,56	-5,82	0,03
ZBBX	-2,54	-3,52	0,03
UGT8	-2,53	-3,78	0,00
UPB1	-2,52	-4,56	0,01
EEF1A2	-2,52	0,02	0,00
CGA	-2,52	-2,92	0,04
MMP13	-2,51	-3,46	0,03

SIGLEC1	-2,51	-2,60	0,00
CAPN14	-2,50	-3,55	0,00
SPON2	-2,47	5,98	0,00
DUOX2	-2,47	-0,66	0,01
SCG5	-2,46	-2,50	0,04
PTGFR	-2,45	-1,85	0,00
CORT	-2,44	-4,97	0,02
COL12A1	-2,43	7,01	0,00
CCDC141	-2,39	1,38	0,00
CCL4	-2,38	-2,42	0,00
TMPRSS11A	-2,36	-3,94	0,04
TSPO2	-2,35	-5,47	0,05
NPPC	-2,35	-2,81	0,00
TLR8	-2,32	-4,18	0,02
MUC4	-2,31	1,14	0,00
SHCBP1	-2,31	-3,33	0,00
CCL3	-2,30	-2,22	0,01
AK5	-2,28	1,24	0,00
SLC16A6	-2,26	-2,00	0,01
HOXD-AS1	-2,25	-0,85	0,01
GRM7	-2,25	-3,17	0,02
TLE6	-2,25	-5,27	0,04
RORB	-2,24	0,33	0,00
ALB	-2,23	-1,93	0,00
CDT1	-2,23	-2,14	0,03
NTNG1	-2,23	0,84	0,00
E2F2	-2,23	-2,55	0,00
E2F7	-2,22	-1,81	0,00
COL11A1	-2,22	-4,89	0,04
FOXJ1	-2,21	-2,03	0,01
CLCA4	-2,21	-2,30	0,02
SERPINA4	-2,20	-4,39	0,01
RS1	-2,19	-4,80	0,05
XIRP2	-2,18	-3,96	0,03
FBXL16	-2,17	-1,76	0,00
ZMYND10	-2,17	-2,58	0,01
SEMA3D	-2,16	1,87	0,00
KCNJ10	-2,16	-0,29	0,00
IL11	-2,15	-5,83	0,04
MUC13	-2,15	1,07	0,00
TPPP3	-2,14	-1,97	0,02
GCNT3	-2,14	-2,99	0,02
GMNC	-2,13	1,36	0,02
UCA1	-2,13	-4,78	0,05
SLC38A4	-2,12	0,59	0,00
GDF11	-2,10	1,45	0,00
LANCL3	-2,09	-2,59	0,01

COCH	-2,08	-1,05	0,01
ATP8A2	-2,08	1,42	0,01
SSTR1	-2,07	-0,05	0,02
PKHD1	-2,07	-0,12	0,01
LGALS2	-2,07	-4,75	0,02
NRP1	-2,06	2,74	0,00
TMED6	-2,03	-1,31	0,00
CCDC78	-2,02	-3,40	0,00
GRPR	-2,01	0,82	0,00
CDH10	-2,01	-0,56	0,00
BANK1	-2,01	3,61	0,00
LRRTM4	-2,00	-3,09	0,02
HNF1A	-2,00	-2,40	0,00
KRT20	-2,00	-2,87	0,01
MOGAT2	-2,00	-3,56	0,02
DLGAP5	-1,99	-1,13	0,00
ODZ1	-1,99	5,10	0,00
PPFIA2	-1,98	1,05	0,02
RDH5	-1,98	-4,58	0,02
KYNU	-1,97	-3,85	0,01
MCOLN3	-1,97	-1,23	0,02
LMX1B	-1,96	-1,74	0,00
NKG7	-1,96	-3,49	0,04
PYHIN1	-1,96	-3,37	0,01
OLR1	-1,95	-1,11	0,00
SDS	-1,95	-2,23	0,03
CCDC83	-1,95	-2,65	0,04
CSMD1	-1,95	-1,56	0,01
KLHL6	-1,93	-2,48	0,00
HOXC6	-1,93	0,93	0,00
SPATC1	-1,92	-4,40	0,00
PLK1	-1,92	-1,31	0,00
PIRT	-1,91	-3,47	0,03
COL11A2	-1,91	-3,68	0,02
MED12L	-1,90	1,50	0,00
PCDHA10	-1,89	-1,00	0,01
TREM2	-1,88	-2,58	0,01
RND1	-1,87	-1,16	0,00
RAB39A	-1,87	-2,06	0,00
E2F8	-1,87	-2,38	0,00
PMS2P5	-1,86	-5,24	0,05
MADCAM1	-1,86	-4,85	0,02
MAOB	-1,86	1,19	0,03
CLSPN	-1,85	-1,62	0,00
GJA3	-1,85	-2,34	0,02
CEP55	-1,84	-1,77	0,01
NUF2	-1,84	-2,91	0,03

HAGHL	-1,83	-3,10	0,05
CELSR3	-1,83	-0,40	0,00
FOXL2	-1,83	-2,77	0,02
HS6ST2	-1,81	-1,06	0,03
APOE	-1,81	0,89	0,00
RFX6	-1,80	-2,28	0,05
NAT8L	-1,80	-2,22	0,01
CADPS	-1,79	-0,21	0,01
MOB4	-1,79	-4,17	0,02
MT1DP	-1,79	-4,09	0,01
PTPRZ1	-1,79	-0,68	0,00
IL1RAPL1	-1,79	-0,54	0,01
PLTP	-1,78	2,00	0,01
PSMC3IP	-1,77	-2,48	0,00
DUSP8	-1,77	0,23	0,00
GAPT	-1,77	-3,85	0,02
OSM	-1,76	-5,23	0,03
GSG2	-1,74	-2,30	0,01
PBK	-1,74	-2,93	0,04
CCDC19	-1,73	-3,02	0,04
ULBP1	-1,73	-4,24	0,04
LINC00173	-1,73	-4,05	0,03
MYBL2	-1,73	-1,57	0,00
ONECUT2	-1,73	1,72	0,00
ASF1B	-1,72	-1,75	0,01
HS3ST1	-1,72	0,76	0,01
TMEM59L	-1,72	-2,77	0,03
RASAL3	-1,72	-2,79	0,00
ANKRD29	-1,71	-0,61	0,02
ESPL1	-1,71	-1,58	0,02
NEK2	-1,70	-2,25	0,02
FAM171B	-1,69	0,68	0,01
MND1	-1,69	-3,42	0,00
OSTalpha	-1,69	-0,84	0,03
GPRC5A	-1,69	3,39	0,03
GFI1	-1,68	-1,93	0,02
IL1RN	-1,67	-1,17	0,03
LINGO3	-1,67	-4,49	0,04
TNFSF8	-1,66	-2,19	0,00
JAG1	-1,66	3,04	0,00
APOC1	-1,66	0,62	0,01
CD22	-1,66	-2,63	0,01
GALNT13	-1,66	-1,80	0,04
SUSD2	-1,65	-0,69	0,00
CXCL11	-1,65	0,05	0,02
KIF18B	-1,65	-2,16	0,02
POLQ	-1,64	-2,18	0,01

PLA2G16	-1,63	0,63	0,01
GPR171	-1,62	-2,26	0,01
GABRP	-1,62	0,06	0,04
FOLH1	-1,61	4,67	0,00
MSR1	-1,61	0,38	0,00
BIRC5	-1,61	-1,20	0,01
MKI67	-1,61	2,64	0,00
ADAMTS3	-1,60	1,62	0,00
PTTG1	-1,60	-1,30	0,01
CD163	-1,60	-0,91	0,00
PHKG1	-1,58	-4,16	0,03
MUC1	-1,58	-0,08	0,01
NPY	-1,58	7,45	0,02
HAVCR2	-1,57	-1,90	0,01
AURKB	-1,57	-3,00	0,01
KCNJ12	-1,56	-2,67	0,03
LPPR4	-1,56	-2,17	0,01
CYP4Z2P	-1,55	-4,33	0,03
HMMR	-1,54	-0,05	0,00
VSIG4	-1,54	-1,78	0,00
TPX2	-1,53	0,57	0,00
EGR1	-1,53	6,27	0,00
DIAPH3	-1,53	-0,98	0,04
UFSP1	-1,53	-3,26	0,01
AGT	-1,52	-2,08	0,04
ITM2A	-1,52	-0,01	0,03
GTSE1	-1,52	-2,01	0,05
MCTP1	-1,51	-0,47	0,01
HEY2	-1,51	-0,40	0,01
PRR7	-1,51	-2,81	0,04
CN5H6.4	-1,50	-5,13	0,04
WNT5A	-1,49	2,32	0,02
DPH3P1	-1,48	-4,35	0,05
DPF1	-1,48	-4,29	0,03
EXO1	-1,47	-2,38	0,01
PTPRT	-1,47	2,06	0,00
STON2	-1,47	1,74	0,00
SIGLEC9	-1,46	-3,47	0,03
REEP1	-1,45	-0,80	0,01
PEAR1	-1,45	-1,81	0,01
ITGBL1	-1,45	-0,98	0,01
CDC45	-1,45	-2,89	0,01
MELK	-1,44	-0,97	0,01
NCAPG	-1,44	-1,04	0,03
CDK5R1	-1,44	-0,65	0,04
FKBP10	-1,43	1,18	0,03
P2RX5-TAX1BP3	-1,43	-3,43	0,04

RSPH4A	-1,43	-1,30	0,01
KIF20A	-1,43	-0,51	0,02
TOP2A	-1,42	1,90	0,00
PPP2R2C	-1,42	0,59	0,00
ZNF296	-1,42	-3,07	0,04
PTK6	-1,41	-2,78	0,02
DPY19L2	-1,41	0,32	0,02
WDR66	-1,41	-1,65	0,01
CERS1	-1,41	-2,45	0,02
A1BG-AS1	-1,41	-4,50	0,03
SPAG5	-1,40	-0,79	0,00
FLJ35946	-1,39	0,74	0,03
DTL	-1,39	-0,91	0,01
RYR2	-1,39	2,38	0,01
UMODL1	-1,39	-4,19	0,03
BUB1	-1,38	-0,60	0,01
MS4A7	-1,37	-0,71	0,00
LMNB1	-1,37	0,00	0,00
CDCA3	-1,37	-1,94	0,01
UBE2C	-1,36	-1,40	0,03
FLJ23867	-1,36	-0,38	0,03
DNASE2B	-1,34	1,47	0,04
PLEK	-1,33	-1,47	0,05
MAP2	-1,33	4,60	0,01
BICC1	-1,33	1,67	0,01
SLC22A31	-1,33	-3,85	0,04
CDKN2D	-1,32	-1,38	0,02
F5	-1,32	3,82	0,03
SLC6A1	-1,32	-4,36	0,04
SEMA3G	-1,32	-1,86	0,03
KIF23	-1,32	-0,71	0,01
MAP6D1	-1,32	0,08	0,04
PDE3A	-1,31	1,97	0,00
AATK	-1,31	-2,67	0,01
CDK1	-1,31	-1,69	0,02
GNB1L	-1,30	-3,25	0,02
AURKA	-1,30	-1,64	0,05
ZNF467	-1,30	-1,07	0,00
CCDC108	-1,29	-2,16	0,01
CIT	-1,29	-0,35	0,01
SNCA	-1,29	0,78	0,00
ZP1	-1,29	-1,08	0,02
MXD3	-1,29	-2,95	0,05
PITPNM1	-1,28	-0,48	0,00
LAG3	-1,28	-1,25	0,01
CENPF	-1,28	1,58	0,01
DISP2	-1,28	-1,58	0,02

IER5	-1,28	-1,94	0,03
VAX2	-1,28	-3,69	0,03
GPR179	-1,28	-3,11	0,02
ANO2	-1,26	-2,47	0,04
SLA	-1,26	-0,98	0,00
FAM111B	-1,26	-0,19	0,03
FAM55C	-1,26	-0,04	0,00
MLF1IP	-1,26	-0,04	0,00
AKAP12	-1,25	4,00	0,00
TERC	-1,25	0,41	0,01
TMEFF2	-1,24	6,82	0,00
CXCL12	-1,24	2,07	0,00
EPPK1	-1,24	1,01	0,02
MTUS2	-1,24	0,16	0,00
SEC16B	-1,23	-1,71	0,01
RTN1	-1,22	2,69	0,02
SLC10A5	-1,22	0,94	0,03
SPG20	-1,22	2,66	0,00
ASPM	-1,22	0,21	0,01
DRAM1	-1,21	0,31	0,01
HSPA1B	-1,20	2,95	0,01
KIF2C	-1,20	-2,47	0,04
RGS2	-1,20	3,13	0,02
FAM110B	-1,20	1,34	0,00
CASC5	-1,19	-0,19	0,02
ODC1	-1,19	6,68	0,01
RGS11	-1,19	0,09	0,00
GAS2L3	-1,18	-1,37	0,03
CYTH3	-1,18	2,17	0,01
EME1	-1,18	-2,86	0,02
FRY	-1,18	1,21	0,00
RAB3IL1	-1,18	-1,82	0,01
PCSK1N	-1,18	-0,37	0,01
PACSIN1	-1,17	-1,56	0,00
SKA3	-1,16	-1,05	0,03
PLCE1	-1,15	0,42	0,01
MDK	-1,14	2,95	0,00
RELN	-1,14	2,35	0,01
GMNN	-1,12	-0,37	0,02
MAPK8IP2	-1,12	-0,36	0,04
TACC3	-1,12	-0,92	0,03
CSF2RA	-1,11	-3,07	0,04
SKA1	-1,11	-1,59	0,02
CD68	-1,11	0,99	0,02
RASSF2	-1,10	0,57	0,02
CDR2	-1,10	2,77	0,04
GGH	-1,10	-1,00	0,04

BAMBI	-1,10	0,75	0,00
BARX2	-1,10	0,04	0,01
PLD1	-1,10	-0,37	0,01
IRF5	-1,10	-1,87	0,01
ADM	-1,09	0,29	0,04
SP6	-1,09	-2,97	0,03
TMEM204	-1,09	-0,59	0,02
TK1	-1,09	-0,09	0,01
ARSG	-1,08	-0,32	0,03
IFI30	-1,08	1,92	0,02
SLCO2B1	-1,08	0,01	0,00
SASH3	-1,08	-1,69	0,05
MMP11	-1,07	-2,46	0,01
E2F1	-1,07	-1,78	0,03
APOD	-1,06	5,60	0,05
WDR62	-1,06	-2,21	0,04
CPNE7	-1,05	-1,02	0,04
KIAA1683	-1,05	0,40	0,02
CMKLR1	-1,05	-0,88	0,04
ANKRD19P	-1,05	-2,40	0,04
PHLDA2	-1,04	-0,53	0,02
HELLS	-1,04	-0,47	0,01
GAL3ST4	-1,04	-0,84	0,02
FSD1L	-1,03	-0,07	0,01
CDON	-1,03	2,00	0,00
ARL9	-1,03	-2,83	0,04
BCMO1	-1,03	-2,55	0,04
CD86	-1,03	-2,60	0,02
FCGR2A	-1,02	0,34	0,00
CDKL3	-1,02	-2,41	0,05
CENPE	-1,02	-0,19	0,03
PRR11	-1,02	-0,67	0,02
MAPK4	-1,02	1,83	0,02
MAD2L1	-1,02	-1,79	0,02
RHBDL1	-1,02	-3,51	0,04
RANBP3L	-1,01	2,40	0,00
LPGAT1	-1,01	3,68	0,00
ERRFI1	-1,01	3,84	0,01
FBP2	-1,01	-1,66	0,05
SLC4A3	-1,01	-0,51	0,01
FGFRL1	-1,01	3,90	0,00
CDCA5	-1,01	-1,26	0,00
CRNDE	-1,00	-0,14	0,03

LogFC values represent $2\log$ fold changes of RNA expression value of Gleason grade 3 in Gleason score 6 prostate cancer divided by its expression value in Gleason score $4 + 3 = 7$ prostate cancer. Negative values represent up-regulation of genes in Gleason score $4 + 3 = 7$ prostate cancer. LogCPM values represent $2\log$ counts per million mapped reads.

Supplementary Table S2: List of genes over-expressed in Gleason grade 3 tumor glands being part of a Gleason score 3 + 3 = 6 as compared to Gleason score 4 + 3 = 7

Gene	logFC	logCPM	p-value
SST	8,51	-3,54	0,00
VIP	8,28	-3,76	0,00
SEMG1	7,92	-4,10	0,00
INSL5	7,59	-2,74	0,00
KIF25	7,53	-4,43	0,00
OR2T10	7,04	-4,93	0,01
ARSF	6,65	-5,21	0,01
SLC6A2	6,60	-5,20	0,01
FLJ46361	6,48	-4,99	0,00
PLA2G3	6,48	-5,46	0,01
MYH6	6,13	-4,98	0,01
GFI1B	6,05	-5,19	0,01
S100A5	5,96	-5,47	0,01
KLHL4	5,87	-5,90	0,01
SPZ1	5,87	-5,99	0,03
G6PC2	5,77	-5,49	0,00
KRT81	5,77	-5,79	0,01
GRM8	5,77	-5,79	0,01
WFIKKN2	5,77	-5,80	0,01
NHLRC4	5,77	-6,09	0,03
CARTPT	5,72	-3,29	0,00
FOXI1	5,67	-5,69	0,02
BCORP1	5,66	-3,87	0,00
OR1B1	5,56	-5,86	0,02
TWIST2	5,56	-6,10	0,02
HSD52	5,56	-5,96	0,03
CCDC164	5,56	-6,21	0,03
OR5P2	5,56	-6,22	0,04
PLA2G2F	5,43	-6,35	0,04
SLC25A31	5,43	-6,17	0,05
ORM1	5,43	3,05	0,00
NPY2R	5,39	-2,67	0,00
PGCP1	5,30	-6,02	0,02
CSDAP1	5,30	-6,06	0,03
BTNL2	5,30	-6,42	0,04
KCNB2	5,30	-6,47	0,04
OR2T8	5,15	-6,53	0,05
AGPAT4-IT1	5,15	-6,33	0,05
KCNK7	4,99	-6,63	0,05
COL9A1	4,93	0,42	0,00
HCG4	4,83	-4,17	0,00
TMCC2	4,80	-6,53	0,04
OR52E2	4,80	-6,40	0,05

OR7D2	4,75	-4,08	0,00
FRMPD4	4,69	-0,56	0,00
SLC35D3	4,62	-4,17	0,00
PAH	4,56	0,99	0,01
GPR116	4,51	2,59	0,00
STAC2	4,48	-4,24	0,01
MYL1	4,42	-3,64	0,03
FOLR1	4,39	-4,82	0,00
MPZ	4,39	-4,93	0,00
GABRG2	4,37	-4,32	0,02
NTF4	4,34	-5,14	0,02
VAT1L	4,34	-5,19	0,03
HCG23	4,23	-4,92	0,00
KCNK2	4,23	-5,13	0,01
DACH2	4,22	-1,31	0,00
PCDH17	4,21	3,28	0,00
GPR62	4,17	-5,26	0,02
GABRQ	4,17	-5,08	0,04
CPNE6	4,10	-4,09	0,00
UCN3	4,07	-3,91	0,01
IQSEC3	4,04	-5,12	0,01
KPNA7	3,98	-5,29	0,01
KCNH4	3,98	-5,48	0,04
CXorf57	3,93	-4,45	0,00
LINC00158	3,92	-1,47	0,00
SEMA5B	3,86	-1,62	0,00
NLRP14	3,84	-5,40	0,01
SLC2A5	3,80	-0,09	0,00
PTCHD3	3,76	-4,58	0,04
UPK1A	3,73	-1,10	0,01
HGF	3,73	0,47	0,00
FCRL3	3,71	-4,12	0,01
CYP27A1	3,70	1,85	0,00
HECW1	3,61	-0,01	0,00
DPYS	3,57	-1,13	0,00
ASCL2	3,54	-5,00	0,02
PAX8	3,53	-2,43	0,00
COL2A1	3,53	3,19	0,00
SLC7A10	3,50	-5,19	0,03
TAF7L	3,50	-5,69	0,04
KANK4	3,49	-3,30	0,00
KRT222	3,48	-4,74	0,03
PRDM8	3,48	0,68	0,00
KCNE3	3,46	-1,36	0,00
DEFB1	3,44	-4,21	0,00
KCNS1	3,38	-2,87	0,01

CD33	3,36	-4,40	0,00
CD177	3,36	3,31	0,00
CCK	3,35	-0,77	0,02
DRD1	3,33	-2,95	0,01
APIB1P1	3,32	-2,83	0,00
PROK1	3,32	-1,57	0,00
OVCH2	3,28	-3,96	0,04
ORM2	3,27	1,12	0,01
TPTE2P1	3,26	-4,00	0,01
CIDEC	3,25	-4,78	0,01
FBXO17	3,25	-1,65	0,00
HOXD9	3,24	-3,40	0,00
TMEM132D	3,14	-1,61	0,01
CXCL5	3,13	-3,20	0,02
NRG2	3,13	-4,48	0,02
NAALADL1	3,10	-3,87	0,00
HOXD10	3,07	-3,52	0,02
OR2W5	3,06	-5,68	0,05
ZNF664-FAM101A	3,06	-5,09	0,02
TDRD12	2,98	-5,54	0,05
COL19A1	2,93	-6,08	0,05
CCDC8	2,92	-3,31	0,04
RNF112	2,92	-3,52	0,00
SLC38A3	2,91	-5,26	0,04
SOX2	2,90	-1,45	0,00
LRRN4	2,88	-2,71	0,00
SFTPA2	2,87	5,06	0,00
SLC22A1	2,85	-3,36	0,00
BCAT1	2,84	-0,19	0,00
GPX7	2,84	-1,05	0,00
NRG1	2,82	-1,73	0,00
CHODL	2,82	-3,66	0,00
ZNF503-AS1	2,82	-2,25	0,00
CYP3A43	2,78	-3,75	0,04
ZNF804A	2,78	-4,36	0,01
JPH2	2,78	-2,54	0,00
PMP2	2,76	-2,29	0,00
PCYT1B	2,76	-3,87	0,02
FAM106A	2,72	-4,57	0,02
EFHD1	2,72	-0,34	0,01
NEFH	2,71	5,48	0,01
THEG5	2,71	-1,70	0,00
SLC16A5	2,66	-0,87	0,00
FLRT3	2,66	1,18	0,00
MBOAT4	2,65	-5,51	0,05
OR2C3	2,64	0,60	0,00

PIK3C2G	2,59	-3,20	0,02
OR1L8	2,59	-4,32	0,00
ATCAY	2,57	-4,37	0,04
COL17A1	2,56	0,18	0,00
SLC12A3	2,53	-3,94	0,01
APOB	2,53	-4,49	0,03
FABP4	2,53	-3,46	0,01
FAM83B	2,52	-1,07	0,00
VSNL1	2,52	-1,89	0,02
P2RX2	2,51	-3,68	0,00
GAP43	2,51	-4,59	0,01
PTPRN	2,51	-4,37	0,04
KCNQ5	2,51	-1,84	0,01
LINC00202	2,50	-3,24	0,02
DMKN	2,49	-2,23	0,00
SULT1C2P1	2,47	-1,20	0,01
CD28	2,46	-0,05	0,00
RND2	2,46	-3,32	0,00
NUDT9P1	2,45	-5,15	0,02
HOXD11	2,44	-1,75	0,04
BPIFB2	2,40	1,72	0,00
SGCA	2,39	-4,21	0,01
ACTC1	2,39	-2,66	0,02
HIF3A	2,38	-2,26	0,02
ZNF208	2,38	-2,89	0,00
TRIM9	2,37	-5,20	0,02
CTF1	2,35	-2,20	0,01
DKK3	2,34	1,53	0,00
SYTL5	2,33	-1,30	0,00
AJAP1	2,32	-4,21	0,01
BMPER	2,30	-3,16	0,01
CRIP3	2,29	-5,36	0,05
VSIG2	2,27	1,91	0,02
DIRAS3	2,25	-3,16	0,03
LURAP1	2,24	-4,17	0,03
LINC00327	2,23	-1,84	0,00
USP44	2,22	-3,19	0,01
KRT5	2,22	1,44	0,03
ACSS3	2,20	-0,34	0,00
MCF2	2,20	-5,00	0,04
SLC22A3	2,18	4,43	0,00
KCNMB1	2,18	-0,12	0,00
KRT17	2,18	-0,09	0,04
TLR4	2,17	2,47	0,00
CYS1	2,17	-3,08	0,05
IL3RA	2,17	-3,96	0,02

CPLX3	2,16	1,98	0,02
ADH4	2,16	-3,15	0,00
CYP2C8	2,16	-4,33	0,03
SLC5A8	2,16	-2,59	0,01
CCR6	2,16	-4,33	0,03
LRP2	2,15	-2,54	0,03
RBFOX3	2,15	-2,07	0,01
SRD5A2	2,14	-0,85	0,00
PCDH7	2,14	1,02	0,00
ANKRD20A8P	2,13	-3,36	0,02
DLK2	2,12	-1,79	0,02
ABCC9	2,10	1,21	0,01
TAS2R10	2,09	-4,79	0,02
POF1B	2,09	0,34	0,02
CDH6	2,09	-1,80	0,05
RNF157	2,09	2,61	0,00
ANO5	2,08	-1,17	0,01
ZNF215	2,08	-1,72	0,05
SNCAIP	2,08	-2,37	0,02
PAK3	2,07	-1,79	0,02
ZNF90	2,07	-2,70	0,03
OR2L13	2,07	-4,07	0,02
GPX3	2,07	3,03	0,00
ATP1A2	2,06	-1,27	0,00
ADRA1A	2,06	-2,85	0,02
ZNF781	2,05	-3,87	0,02
SLC14A1	2,05	2,37	0,02
RDH16	2,05	-0,04	0,04
TP63	2,05	1,02	0,05
SOX30	2,04	-3,48	0,02
KIAA1210	2,03	0,53	0,01
CYP26B1	2,02	-2,65	0,02
NTRK3	2,02	-1,57	0,00
ACOT11	2,00	-2,82	0,02
AXDND1	2,00	-3,04	0,00
PDPN	1,97	-1,50	0,00
PPP4R1L	1,96	-2,35	0,02
NKD2	1,95	-4,39	0,02
CCDC81	1,95	-3,07	0,01
CELF4	1,94	-2,66	0,01
ZNF257	1,94	-2,18	0,03
BMP7	1,93	0,09	0,03
FAM3D	1,92	0,02	0,00
CNGA4	1,90	-4,41	0,05
NDNF	1,89	0,55	0,01
SIX2	1,88	-3,62	0,03

ATP6V0D2	1,88	-3,32	0,03
SMOC1	1,88	-2,04	0,03
LAMP5	1,87	-0,47	0,04
MPP2	1,86	-3,30	0,04
ACTG2	1,85	4,76	0,00
MACROD2-AS1	1,84	-3,31	0,02
WISP2	1,84	-4,52	0,01
ZNF711	1,83	-0,81	0,01
BCL2L15	1,83	-1,85	0,04
HSPB8	1,82	-0,30	0,01
RNF165	1,82	-1,85	0,04
CHRD1	1,82	1,27	0,00
PTN	1,81	4,46	0,00
ASB5	1,81	-0,09	0,01
DNM1	1,80	-2,78	0,05
ZNF454	1,80	-1,21	0,01
CDH3	1,80	1,34	0,00
SLITRK5	1,77	-1,26	0,01
VIT	1,77	-3,57	0,03
GTF2IRD2B	1,77	-4,10	0,01
SOCS1	1,76	-1,17	0,05
DCHS1	1,75	2,85	0,00
ZNF300P1	1,75	-1,49	0,03
CDCA7	1,73	-0,39	0,00
LAYN	1,72	-2,41	0,04
SRPX	1,71	-1,71	0,01
SULT4A1	1,71	-4,84	0,03
PGM5	1,71	1,02	0,00
WFDC1	1,70	-1,71	0,04
MYL9	1,70	3,16	0,00
LSAMP	1,69	2,80	0,04
ISL1	1,69	-1,73	0,01
ADAMTS5	1,69	-2,29	0,02
SLC5A4	1,68	0,73	0,00
TMEM35	1,68	-3,03	0,03
MET	1,68	0,50	0,02
HCAR1	1,67	1,20	0,00
MYOCD	1,65	-0,02	0,01
LG14	1,65	-3,23	0,02
RIN3	1,65	-0,40	0,02
GRIK5	1,64	-2,86	0,02
PKD2L2	1,64	-3,61	0,01
TBX5	1,64	-2,71	0,05
PDZRN4	1,63	-1,60	0,01
RFPL2	1,63	0,71	0,00
RAPGEF4	1,62	2,65	0,00

PCP4	1,61	0,82	0,01
HCAR3	1,60	-4,32	0,03
SERPINF1	1,60	0,73	0,00
PHYHIPL	1,60	-1,34	0,02
P2RX1	1,59	-3,26	0,05
SPEG	1,58	-2,18	0,03
NRK	1,58	-1,74	0,01
IL5RA	1,58	0,77	0,00
FAM86B1	1,57	-2,56	0,02
PTGIS	1,57	-0,10	0,00
IGFBP6	1,56	-0,74	0,00
SERTAD4	1,56	-1,53	0,03
SLC16A7	1,56	-2,84	0,02
ST6GALNAC4	1,56	-3,54	0,04
IL33	1,56	-0,89	0,03
KCNU1	1,55	-3,20	0,02
FERMT1	1,55	2,19	0,00
MAGI2-AS3	1,54	-1,34	0,04
TGFB1I1	1,53	-0,37	0,03
GCG	1,53	-1,42	0,03
PLCL2	1,53	-2,85	0,05
PLIN2	1,53	1,96	0,00
KLRG1	1,53	-2,37	0,04
PZP	1,53	-2,66	0,02
CYP3A5	1,53	1,06	0,03
WIF1	1,52	-3,16	0,02
ABCA6	1,52	-1,06	0,00
ACTA2	1,52	4,38	0,00
ID4	1,52	-0,40	0,01
GALNT14	1,51	-3,17	0,04
FAM133B	1,51	-3,66	0,03
ADH6	1,50	-1,83	0,00
FUT9	1,48	-1,57	0,02
NINL	1,48	0,33	0,01
CNN1	1,48	1,75	0,01
PHACTR1	1,48	-2,21	0,01
MAGI2	1,48	1,31	0,01
RAB9B	1,48	-1,85	0,01
FGF7	1,48	-1,02	0,03
EFEMP1	1,47	0,66	0,00
FLNA	1,47	3,94	0,00
FAT3	1,47	0,32	0,01
SYT6	1,46	-0,04	0,00
FMO4	1,46	-0,65	0,03
MYOF	1,45	3,40	0,01
FLG2	1,45	-3,48	0,02

UCHL1	1,45	-1,17	0,04
BOC	1,45	1,33	0,01
ZNF843	1,44	-3,92	0,03
MAML2	1,44	2,98	0,01
ACSM3	1,44	3,04	0,00
PTGDS	1,43	1,54	0,00
KLHL10	1,43	-4,72	0,05
FREM2	1,42	-0,21	0,01
SP140L	1,42	-0,74	0,04
FAIM2	1,42	-1,55	0,01
COL25A1	1,41	0,62	0,00
CCL2	1,41	1,91	0,03
TPM2	1,40	3,31	0,00
TSC22D1-AS1	1,40	-3,07	0,03
LDB3	1,39	-0,79	0,03
NOV	1,39	2,47	0,00
MYH11	1,39	5,90	0,00
IGFBP5	1,38	4,34	0,03
CYP1B1	1,38	5,20	0,00
ADPRHL1	1,37	0,55	0,03
FLNC	1,37	1,24	0,00
SEMA7A	1,36	-3,38	0,04
NT5E	1,36	-1,23	0,02
PRH2	1,36	-1,76	0,01
PRKY	1,34	0,36	0,00
ZNF185	1,34	1,28	0,00
MYOM1	1,34	-1,61	0,01
POU5F2	1,33	-3,20	0,03
ZNF774	1,33	-1,03	0,01
SCNN1A	1,33	3,05	0,01
FLJ10661	1,32	-3,61	0,05
NCKAP5	1,31	2,26	0,00
NUDT18	1,30	-2,31	0,03
MSRB3	1,29	0,97	0,01
TAGLN	1,29	3,19	0,00
LEPREL2	1,29	-1,66	0,01
PTRF	1,29	2,53	0,04
CNN3	1,29	4,08	0,00
NRCAM	1,29	2,16	0,02
ZNF469	1,29	-1,79	0,02
ESR2	1,28	-3,21	0,01
RPA4	1,28	-3,66	0,05
MRV11	1,28	0,83	0,02
MARVELD1	1,27	0,15	0,01
NHS	1,27	-0,06	0,01
HOTTIP	1,27	1,28	0,02

ID2	1,27	2,12	0,03
CSPG4	1,27	-0,83	0,02
CDH26	1,26	2,58	0,00
PATE4	1,26	-1,73	0,01
LMOD1	1,26	1,89	0,02
MCAM	1,26	-1,19	0,04
ZNF578	1,26	-0,14	0,01
CCDC3	1,25	-1,14	0,04
ZNF655	1,24	3,07	0,00
RND3	1,24	0,50	0,04
BNIPL	1,24	-2,16	0,03
TGFB3	1,23	2,65	0,01
EML5	1,23	2,38	0,00
RGNEF	1,22	0,34	0,04
RGS7BP	1,22	-0,93	0,03
SLC22A17	1,22	0,91	0,03
AOC3	1,22	0,87	0,02
MYLK	1,22	4,02	0,01
CORO2B	1,21	-2,88	0,02
MSTN	1,21	-2,98	0,05
TTY10	1,21	-1,78	0,02
SCRG1	1,20	-3,26	0,04
DFNB59	1,19	-3,32	0,04
SYNPO2	1,19	4,28	0,01
LPXN	1,19	1,21	0,02
ANKRD31	1,19	-2,58	0,04
DES	1,18	2,94	0,01
PASK	1,18	1,27	0,02
SFN	1,18	1,80	0,01
COLQ	1,18	-2,15	0,02
FBLN1	1,17	2,67	0,02
CNTN1	1,17	0,00	0,01
PDLIM4	1,16	0,58	0,02
COTL1	1,15	2,65	0,02
PCDHB19P	1,15	-1,89	0,01
APLF	1,14	-0,83	0,04
SYNM	1,14	3,27	0,02
UCP2	1,14	1,56	0,04
SERPING1	1,12	3,19	0,00
AHNAK2	1,12	0,27	0,02
BCAS1	1,11	4,00	0,02
ARSJ	1,10	1,25	0,00
CPAMD8	1,09	1,11	0,03
GNG4	1,07	3,65	0,02
DLL1	1,06	0,12	0,04
CACNB4	1,05	0,61	0,04

GSTA4	1,05	2,69	0,00
HERPUD1	1,04	5,70	0,00
LEF1	1,04	1,24	0,01
FAT4	1,04	0,43	0,04
NPAS2	1,03	3,97	0,00
CHL1	1,03	2,44	0,05
SPARCL1	1,03	3,94	0,02
TMEM200A	1,03	-0,74	0,01
TNS1	1,02	4,43	0,03
MXRA7	1,01	1,97	0,02

LogFC values represent $2\log$ fold changes of RNA expression value of Gleason grade 3 in Gleason score 6 prostate cancer divided by its expression value in Gleason score $4 + 3 = 7$ prostate cancer. Positive values represent up-regulation of genes in Gleason score $3 + 3 = 6$ prostate cancer. LogCPM values represent $2\log$ counts per million mapped reads.