

Supplemental Table S11. Assembly coverage of Y-linked and X-linked single-copy genes.

Gene	Chrom.	CDS size	% assembled MHAP	% assembled LH
<i>ARY</i>	Y	1,101	100.0	100.0
<i>CCY</i>	Y	4,000	26.8	26.8
<i>ORY</i>	Y	2,745	47.1	47.1
<i>PRY</i>	Y	3,744	26.9	33.9
<i>kl2</i>	Y	13,380	74.1	74.1
<i>PPr-Y</i>	Y	1,710	72.9	83.4
<i>kl3</i>	Y	13,053	61.6	53.7
<i>kl5</i>	Y	13,680	23.9	23.9
<i>Pp1Y1</i>	Y	921	100.0	100.0
<i>WDY</i>	Y	2,975	100.0	100.0
<i>Pp1Y2</i>	Y	930	100.0	100.0
Sum Y genes	Y	58,239	54.5	53.5
<i>dusky</i>	X	2,100	100.0	100.0
<i>garnet</i>	X	3,105	100.0	100.0
<i>scalloped</i>	X	1,323	100.0	100.0
<i>singed</i>	X	1,539	100.0	100.0
<i>crossveinless</i>	X	774	100.0	100.0
<i>notch</i>	X	8,112	100.0	100.0
<i>lozenge</i>	X	2,481	100.0	100.0
<i>white</i>	X	2,064	100.0	100.0
<i>cut</i>	X	7,152	100.0	100.0
<i>fused</i>	X	2,418	100.0	100.0
<i>ruby</i>	X	3,483	100.0	100.0
<i>scute</i>	X	1,038	100.0	100.0
<i>vermillion</i>	X	1,140	97.8	97.8
<i>forked</i>	X	5,757	100.0	100.0
<i>miniature</i>	X	2,049	100.0	100.0
<i>yellow</i>	X	1,626	100.0	100.0
<i>echinus</i>	X	5,298	100.0	100.0
<i>Clathrin-heavy-chain</i>	X	5,037	100.0	100.0
<i>carnation</i>	X	1,854	100.0	100.0
<i>tan</i>	X	1,164	100.0	100.0
Sum X genes	X	59,514	100.0	100.0