

1
>09390 TTCTTGGCCTCGGAAAGGCCGGGTCCGCAACTCTGCTCTGGCAGAGCC**ATG**TCCGGTCTGTCGCCGTTTC-GAAATTC**CAACAATG**CCAGCAGTCTTCCGGTCCGGTCCCTCAACTCTATATCGCGAGCTGGCTGAATTTGCA
>17458 TTCTCGGCCCTCGGGTGGCC-ACGTTCGTAACTCTGTCTCTGGCAGAGCC**ATG**TCCGGCCGTCGCCGTTTTC-GAGCCCTCAAC**ATG**CCCAAGGTCCTTTTGATTTCTGGTCTTCAACTCT**ATG**GGCCGACGTGCCCTGAATTTGAAA
>14257 TTCTCGGCCCTCGGGTGGCC-GCGTTCGTAACTTTGTCCTCTGGCAGAGCC**ATG**TCCGGCC**ATG**CCCGTTC**TA**GAACCCCTCAAC**ATG**CCCAATAGTCTCTCGATTCGGGTCC-CAACCTGTATATCGCGACGTTCCCTGAATTTGCA
>16414 TTCCCGCCCTCGG**ATG**GGCC-GCGTTCGTAACTC-----CGTCCGACAGTGTCCGTTTTC-GAACCCCTCGAC**ATG**CCCAAGAGTCTTCCGATTCGGGTAC-CAACTGTATCGCGACGTTACTGAATTTCA
>17084 TTCTCGGCCCTCGGGTGGCC-GCGTTCGTAACTC-----TGTCCGGCCCGTGGCCGTTTTC-GAAATTC**CAATATG**CCCAACAGTCTCTCGATTCGGGTCCCAACTCTATCGCGACGTTCCCTGAATTTGCA
>14000 TTCTCGGCCCTCGGGTGGCC-GCGTTCGTAACTC-----TGTCCGGCCCGTGGCCGTTTTC-GAATCC**CAATATG**CCCAACAGTCTTCCGATTCGGGTCCCAACTCTATCGCGACGTTCCCTGAATTTGCA
>12589 TTCTCGGCCCTCGGGTGGCC-GCGTTCGTAACTC-----TGTCCGGCCCGTGGCCGTTTTC-GAATCC**CAATATG**CCCAACAGTCTTCCGATTCGGGTCCCAACTCTATCGCGACGTTCCCTGAATTTGCA
>17123 TTCTCGGCCCTCGGGTGGCC-GCGTTCGTAACTC-----TGTCCGGCCCGTGGCCGTTTTC-GAATCC**CAATATG**CCCAACAGTCTTCCGATTCGGGTCCCAACTCTATCGCGACGTTCCCTGAATTTGCA
>14422 TTCTCGGCCCTCGGGTGGCCCGGTTCGCAACTCTGCTCTGGCAGAGCC**ATG**TCCGGCCCGTGGCCGTTTTC-GAACCCCTCAAC**ATG**CCCAACAGTCTTCCGATTCGGGTCCCAACTCTATCGCGACGTTCCCTGAATTTGCA
>15059 TTCTCGGCCCTCGGGTGGCCCGGTTCGCAACTCTGCTCTGGCAGAGCC**ATG**TCCGGCCCGTGGCCGTTTTC-GAACCCCTCAAC**ATG**CCCAACAGTCTTCCGATTCGGGTCCCAACTCTATCGCGACGTTCCCTGAATTTGCA

2
139
>09390 CGCTGTGCCATCTCCCTCTCAGC-GGGCCCTTA-**ATG**GGATCCCTCACATTTTGACGATTTCCGGGTTTGCTTACCAAGGTCCTTCC**TG**ACCACCACTTCTCTCGTTCCTCTGGCCGATCACAGCCACGCCACCGCTCACAA
>17458 CGCTGTGCCCTCTCCCTCTCACA-GGGCCCTTA-**ATG**GGATTTACACACGCTTCGACGATTTTCGGTTCGTTACT**ATG**GTCTTCTCGACCACTTCTCTCGTTCCTTAGTAGATCACACCCACAG-----TTCCAA
>14257 CGCTGTGCCCTCTCCCTCTCACA-GGGCCCTTA-**ATG**GGATTTACACACCTTCGACCA**ATG**TTTGGCTTGGCTTACT**ATG**GTCTTCTCTGACCACTTCTCTCGTTCCTTAGTAGATCACACCCACAG-----TTCCAA
>16414 GGCCTGACCTTTTCACTCTACA-GGGCCCTTA-**ATG**GGATTTACACACAGTTCGACGATTTTCGGTTCGTTTACT**ATG**GTCTTCTCTGACCACTTCTCTCGTTCCTTAGTAGATCACAAACCCACAG-----TTCCAA
>17084 CGCTGTACCTCTCCCTCTACA-GGGTCCCTA-**ATG**GGATTTACAAACTTCGACGATTTTCGGTTCGTTTACT**ATG**GTCTTCTCTCGGGGCTTCTCTCGTTCCTTAGTAGATCACACCCACAG-----TTCCAA
>14000 CGCTGTACCTCTCCCTCTACA-GGGTCCCTA-**ATG**GGATTTACAAACTTCGACGATTTTCGGTTCGTTTACT**ATG**GTCTTCTCTCGGGGCTTCTCTCGTTCCTTAGTAGATCACACCCACAG-----TTCCAA
>12589 CGCTGTACCTCTCCCTCTACA-GGGTCCCTA**ATG**GGATTTACAAACTTCGACGATTTTCGGTTCGTTTACT**ATG**GTCTTCTCTCGGGGCTTCTCTCGTTCCTTAGTAGATCACACCCACAG-----TTCCAA
>17123 CGCCGTGCCCTCTCCCTCTACA-GGGCCCTTA-**ATG**GGATTTACACACTTCGACGATTTTCGGTTCGTTTACT**ATG**GTCTTCTCTGACCAAGGCTTCTCTCGGTTCCTTAGTAGATCACACCCACATG-----TTCCAA
>14422 CGCTGTGCCCTCTCCCTCTCACA-GGGCCCTTA-**ATG**GGACTCCACACTTCGACGATTTTCGGTTCGTTTACT**ATG**GTCTTCTCTAGTTCCTTAGTAGATCACACCCACAG-----TCACAA
>15059 CGCTGTGCCCTCTCCCTCTCACA-GGGCCCTTA-**ATG**GGACTCCACACTTCGACGATTTTCGGGCTTTCGTTACT**ATG**GTCTTCTCTAGTTCCTTAGTAGATCACACCCACAG-----TCACAA