

S6 Table. IDs of the DNA sequences used in the phylogenetics analysis.

Species	Gene	GenBank or Ensembl ID
<u>IL17A phylogenetic tree</u>		
<i>Homo sapiens</i>	<i>IL17A</i>	NM_002190
<i>Pan paniscus</i>	<i>IL17A</i>	XM_003833162
<i>Pan troglodytes</i>	<i>IL17A</i>	XM_527408
<i>Gorilla gorilla</i>	<i>IL17A</i>	XM_004044183
<i>Pongo abelii</i>	<i>IL17A</i>	XM_002816996
<i>Nomascus leucogenys</i>	<i>IL17A</i>	XM_003254163
<i>Macaca fascicularis</i>	<i>IL17A</i>	XM_005552759
<i>Macaca nemestrina</i>	<i>IL17A</i>	XM_011756846
<i>Macaca mulatta</i>	<i>IL17A</i>	XM_001106391
<i>Papio anubis</i>	<i>IL17A</i>	XM_003897728
<i>Callithrix jacchus</i>	<i>IL17A</i>	XM_002746684
<i>Saimiri boliviensis</i>	<i>IL17A</i>	XM_003923111
<i>Microcebus murinus</i>	<i>IL17A</i>	XM_012760842
<i>Mus musculus</i>	<i>Il17a</i>	NM_010552
<i>Rattus norvegicus</i>	<i>Il17a</i>	NM_001106897
Herpesvirus saimiri (HVS)	<i>ORF13</i>	NC_001350
Herpesvirus saimiri (HVS) strain C488	<i>ORF13</i>	AJ410493
<u>CD59 phylogenetic tree</u>		
<i>Homo sapiens</i>	<i>CD59</i>	NM_203330
<i>Pan paniscus</i>	<i>CD59</i>	XM_008955860
<i>Pan troglodytes</i>	<i>CD59</i>	XM_009460159
<i>Gorilla gorilla</i>	<i>CD59</i>	XM_004050913
<i>Pongo abelii</i>	<i>CD59</i>	NM_001133389
<i>Nomascus leucogenys</i>	<i>CD59</i>	XM_003254387
<i>Macaca fascicularis</i>	<i>CD59</i>	NM_001283527
<i>Macaca nemestrina</i>	<i>CD59</i>	XM_011724034
<i>Macaca mulatta</i>	<i>CD59</i>	NM_001261705
<i>Papio anubis</i>	<i>CD59</i>	XM_009186334
<i>Callithrix jacchus</i>	<i>CD59</i>	XM_002755162
<i>Saimiri boliviensis</i>	<i>CD59</i>	XM_010333276
<i>Microcebus murinus</i>	<i>CD59</i>	XM_012739886
<i>Mus musculus</i>	<i>Cd59</i>	NM_001111060
<i>Rattus norvegicus</i>	<i>Cd59</i>	NM_012925
Herpesvirus saimiri (HVS)	<i>ORF15</i>	NC_001350
Herpesvirus saimiri (HVS) strain C488	<i>ORF15</i>	AJ410493
<u>TYMS phylogenetic tree</u>		
<i>Homo sapiens</i>	<i>TYMS</i>	NM_001071
<i>Pan troglodytes</i>	<i>TYMS</i>	NM_001246582
<i>Pongo abelii</i>	<i>TYMS</i>	ENSPPYT00000033303
<i>Macaca mulatta</i>	<i>TYMS</i>	NM_001195507
<i>Papio anubis</i>	<i>TYMS</i>	ENSPANT00000022270
<i>Callithrix jacchus</i>	<i>TYMS</i>	ENSCJAT00000000247
<i>Otolemur garnettii</i>	<i>TYMS</i>	ENSOGAT00000033315
<i>Bos taurus</i>	<i>TYMS</i>	NM_001037816
<i>Ovis aries</i>	<i>TYMS</i>	ENSOART00000010195
<i>Sus scrofa</i>	<i>TYMS</i>	NM_001243579
<i>Equus caballus</i>	<i>TYMS</i>	ENSECAT00000024973
<i>Canis lupus familiaris</i>	<i>TYMS</i>	NM_001252174

S6 Table. IDs of the DNA sequences used in the phylogenetics analysis. (cont.)

Species	Gene	GenBank or Ensembl ID
<i>Mustela putorius furo</i>	<i>TYMS</i>	ENSMPUT00000005469
<i>Spermophilus tridecemlineatus</i>	<i>TYMS</i>	ENSSTOT00000000908
<i>Pteropus vampyrus</i>	<i>TYMS</i>	ENSPVAT00000000700
<i>Myotis lucifugus</i>	<i>TYMS</i>	ENSMLUT00000009583
<i>Loxodonta africana</i>	<i>TYMS</i>	ENSLAFT00000014909
<i>Dasypus novemcinctus</i>	<i>TYMS</i>	ENSDNOT00000043823
<i>Oryctolagus cuniculus</i>	<i>TYMS</i>	ENSOCUT00000008664
<i>Cavia porcellus</i>	<i>TYMS</i>	ENSCPOT00000015726
<i>Mus musculus</i>	<i>Tyms</i>	NM_021288
<i>Rattus norvegicus</i>	<i>Tyms</i>	NM_019179
<i>Sarcophilus harrisi</i>	<i>TYMS</i>	ENSSHAT00000003568
<i>Ornithorhynchus anatinus</i>	<i>TYMS</i>	ENSOANT00000018418
<i>Latimeria chalumnae</i>	<i>TYMS</i>	ENSLACT00000018651
<i>Gallus gallus</i>	<i>TYMS</i>	ENSGALT00000024028
<i>Anolis carolinensis</i>	<i>TYMS</i>	ENSACAT00000008476
<i>Oryzias latipes</i>	<i>tyms</i>	ENSORLT00000013877
<i>Gasterosteus aculeatus</i>	<i>tyms</i>	ENSGACT00000005429
<i>Danio rerio</i>	<i>tyms</i>	NM_131760
<i>Petromyzon marinus</i>	<i>tyms</i>	ENSPMAT00000007617
<i>Xenopus tropicalis</i>	<i>tyms</i>	NM_001079384
<i>Caenorhabditis elegans</i>	<i>tyms1</i>	NM_059131
Macropodid herpesvirus 1 (MaHV1)	<i>TS</i>	AF188480
Equid herpesvirus 2 (EHV2)	<i>ORF70</i>	NC_001650
Equid herpesvirus 5 (EHV5)	<i>ORF70</i>	NC_026421
Kaposi's sarcoma-associated herpesvirus (KSHV) strain GK18	<i>ORF70</i>	NC_009333
Kaposi's sarcoma-associated herpesvirus (KSHV) type M	<i>ORF70</i>	U75698
Retroperitoneal fibromatosis-associated herpesvirus (RFHV)	<i>ORF70</i>	KF703446
Macaca nemestrina rhadinovirus 2 (MneRV2)	<i>ORF70</i>	KP265674
Rhesus macaque rhadinovirus (RRV) strain 12E2	<i>ORF70</i>	JN885137
Rhesus macaque rhadinovirus (RRV) strain 3A1	<i>ORF70</i>	JN885136
Rhesus macaque rhadinovirus (RRV) strain 17577	<i>ORF70</i>	AF083501
Rhesus macaque rhadinovirus (RRV) strain 26-95	<i>ORF70</i>	AF210726
Varicella-zoster virus (VZV)	<i>ORF13</i>	NC_001348
Simian varicella virus (SVV)	<i>ORF13</i>	NC_002686
Herpesvirus saimiri (HVS)	<i>ORF70</i>	NC_001350
Herpesvirus saimiri (HVS) strain C488	<i>ORF70</i>	AJ410493
Ateline herpesvirus 2 (AtHV2)	<i>TS</i>	M22036
Ateline herpesvirus 3 (AtHV3)	<i>ORF70</i>	NC_001987