

Supp. Table S4

TPB1 KO-5'f-F	ATGCGCGGCCCGCACCATCACGAAAGAATTCAAATAG
TPB1 KO-5'f-R	ATGCCTGCAGGACCATATATACCTTTTAGA
TPB1 KO-3'f-F	ATGCACTAGTCAGGCTAAATTAAGACTATT
TPB1 KO-3'f-R	ATGCCTCGAGTCACATTTATTTATTTATAT
TPB1hpA-F	ATGCGGGCCCTATACCTTTAGAGTCAACTCCAGT
TPB1hpA-R	ATGCCTCGAGGGCTTTTAGGGACAATACACTTTA
TPB1hpB-F	ATGCGTTTTAACTATACCTTTAGAGTCAACTCCAGT
TPB1hpB-R	ATGCCCGGGGGCTTTTAGGGACAATACACTTTA
TPB1 RT-PCR-F	GGAGAGACAAAATATTTAACTAAGG
TPB1 RT-PCR-R	CCGAGTGGGCATATTTATTGTAAA
Tub RT-PCR-F	TCAGTAACCTTCTTCTTCACC
Tub RT-PCR-R	CACTGGTTTCAAGGTCGGTAT
IES-region_N-F	CTTGTGTTTAGCAAAGTTTG
IES-region_N-R	GAGATTCACCTATTAGTTAAATT
IES-region_E-F	GATTCCAAGCCAATAGTTAA
IES-region_E-R	GATGCTATTCTTTTAGGGTT
IES-region_G-F	TTTTAAGTAAAAGGCACATGATCATTTTCAGTAGCACCAG
IES-region_G-R	CCTGCTGTAGGATTAACCTCTTTTATCTGTGTAAA
IES-region_C-F	TCTTCTTCCTTCTTCTTGCC
IES-region_C-R	CAGAAGAAGACAGAAAGAGAAAAGT
IES-region_O-F	AGATTTCACTAATACTTTCTTTGTGCGTGAC
IES-region_O-R	GCCAAACATTGACTCTTCTTGTAAGTAAACATCTTT
VMA4 RT-PCR-F	AAATCTGAAGCAGAAGAGAA
VMA4 RT-PCR-R	GTCAAAACGAGCTTTCATTT
VMA4 5'RACE-gsp-1	ACTTCACGAGCAAGCTACAA
VMA4 5'RACE-gsp-2	TCAAGAGAGTGGTATTCATT
VMA4 5'RACE-gsp-3	AGAAAGCAAGATCAACTCTT
VMA4 RT-SP1-F	ATGGCAGATTTTATTAA
VMA4 RT-SP2-F	ATGAGCTGCTCTTAAAGTGTTAAT
VMA4 rescue KI-5'f-F	ATGCGGCCGCAAAATGATTCTTAAGTCAATG
VMA4 rescue KI-5'f-R	ATGCCTGCAGTGGCAATAATAAATTACACG
VMA4 rescue KI-3'f-F	ATGCGGATCCTATTAACCATATTATTTAAA
VMA4 rescue KI-3'f-R	ATGCCTCGAGGATAAAGTAAATGCTTTGGA
DOP1 RT-PCR-F	TCTAGAAAAGCTCTGGAGTT
DOP1 RT-PCR-R	GAAGCATGTCTAATTAAGG
DOP1hpA-F	ATGCGGGCCCTGAAGAAAAGTACTAGGATTAGC
DOP1hpA-R	ATGCCTCGAGCAAACATTGACTCTTCTTGT
DOP1hpB-F	ATGCGTTTTAACTGAAGAAAAGTACTAGGATTAGC
DOP1hpB-R	ATGCCCGGGCAAACATTGACTCTTCTTGT
DOP1 rescue-F	AGATGCAAGCGATAATTCTT

DOP1 rescue-R	ACCAGCTACAAGTTCGTTTT
IES-region_N-rDNA-F	ATGCCTCGAGAATTTAAATGGCAGATTTTA
IES-region_N-rDNA-R	ATGCGGGCCCTAAACGTTTTCTTGAGGTTTATTAAC
IES-region_N-rDNA-F(noIR)	ATGCCTCGAGAATTTAAATGGCAGATTTTTTAAATAATTTTTTACCTA
IES-region_N-rDNA-R(noIR)	ATGCGGGCCCTAAACGTTTTCTTGAGGTTTAGAGCAGCTCATAAAATTT
IES-region_N-rDNA-IRshift-F	ATGCGCTAGCTAAAGTGTTAATAATGCAGAAAGTGATTCTCAACA
IES-region_N-rDNA-IRshift-R	GCATTGCTAGCATAACTTATTTTC
TIR12-GFP-F	ATGCGTTTTAAACATTAACACTTTAAGAACTTTTCACTGGAGTTGTCCC
TIR12-GFP-R	ATGCGGGCCCATTAACACTTTAGGAGTATTTTGTTGATAATG
TD40-GFP-F	ATGCGTTTTAACTTTATTAACACTTAATTAATAATTTTTTACCTATATATTAGAACTTTTCACTGGAGTTGTCCC
TD40-GFP-R	ATGCGGGCCCTTTATTAACACTTTAAGAGCAGCTCATAAAATTTTTGAAAGGAGTATTTTGTTGATAATG
TD60-GFP-F	ATGCGTTTTAACTTTATTAACACTTAATTAATAATTTTTTACCTATATTTAAATCTTTCTAAAATTTTAGAACTTTTCACTGGAGTTGTCCC
TD60-GFP-R	ATGCGGGCCCTTTATTAACACTTTAAGAGCAGCTCATAAAATTTTTGAAAATTTTTAATCAAAATTTTAGGAGTATTTTGTTGATAATG
TIR12-TTN2-F	ATGCCTCGAGATTAACACTTTATTCAAAGATGATGAACCTGGTGGCT
TIR12-TTN2-R	ATGCGGGCCCATTAACACTTTAAAGAAAACATCGACTTCAGCACCTA
TD40-TTN2-F	ATGCGTTTTAACTTTATTAACACTTAATTAATAATTTTTTACCTATATTTTCAAAGATGATGAACCTGGTGGCT
TD40-TTN2-R	ATGCGGGCCCTTTATTAACACTTTAAGAGCAGCTCATAAAATTTTTGAAAAGAAAACATCGACTTCAGCACCTA
TD60-TTN2-F	ATGCGTTTTAACTTTATTAACACTTAATTAATAATTTTTTACCTATATTTAAATCTTTCTAAAATTTTTTCAAAGATGATGAACCTGGTGGCT
TD60-TTN2-R	ATGCGGGCCCTTTATTAACACTTTAAGAGCAGCTCATAAAATTTTTGAAAATTTTTAATCAAAATTTTTAAAGAAAACATCGACTTCAGCACCTA
TPB1 KD-check RT-PCR-F	GAATCTGAGACTTCTTAGCA
TPB1 KD-check RT-PCR-R	TTCCATTAGAATCTCACAA
PDD1 RT-PCR-F	TTCTTAGTCTTATTGAGCTAACTC
PDD1 RT-PCR-R	CTGAGCTTGATATTTGAAGAA
NB-G RT-PCR-F	TAGTCAAATCTTTGTTTTCCGAGTC
NB-G RT-PCR-R	TAGCTGCGCCTAAATTGAAC
LIA2IES-F	AAAATAGATCCAGATACAG
LIA2IES-R	CTTGATTAGGGAAACCATTA
IES-region_F-F	CTTAAAAAAGTCAGTCCCT

IES-region_F-R	CAACTAAATAATAGGCAAAA
IES-region_H-F	TTGTAGCAATCACAATCACAAGTAG
IES-region_H-R	GGATTGTGCAGTAGATTTGTTAAGA
IES-region_K-F	TACCAGTATAATAATTCCGC
IES-region_K-R	CTCCTAGTAGTTCTTTGTTGTT
IES-region_N-rDNA-right TIR 3bp mutation-F	ATGCGTTTAAACTTTATTAATGTTTAATTAATAATTTTTTACCTA
IES-region_N-rDNA-right TIR 3bp mutation-R	ATGCGGGCCCTTTATTAACACTTTAAGAGCAGC
TPB6 KO-5'f-F	GGTACC CTAGTACAGATTAACCTATTTGCAAATC
TPB6 KO-5'f-R	GGATCC GATCAATTATTGAATTTACATTGAATGC
TPB6 KO-3'f-F	CCCGGG GTTAATATCTTTAGAGAGGTAAATTGAAAG
TPB6 KO-3'f-R	GAGCTC CTTGATATATGATAAATAAGACAGTTTTG
TPB6 KO check 5'-end-F	GCAAAC TATTAATGTATTTAGTTAATAGG
TPB6 KO check 5'-end-R	CAATCAGAATCAGTCTTTCTAGAGATTC
TPB6 KO check 3'-telomere end-F	CATTTAATTTCTTAAAGAATATTTAACTTAC
TPB6 KO check 3'-telomere end-R	CCCCAACCCCAACCCCAA
DNA deletion assay in rDNA check-F	AGATGTGATTCTTGAATCTCTCTTG
DNA deletion assay in rDNA check-R	ATTTATAAGCAGTTGATTGAA