

Supplemental Table S3: Gene expression ratios of PG10 and P538 compared to *Bacillus subtilis* Δ6

Color code

	Gene is differential expressed in both strains
	Gene didn't pass the Benjamini Hochberg correction due to different expression in the replicate 3 of P538
	Genes are located within one operon

Legend

- 1 Locus tag of the gene referring to the *Bacillus subtilis* 168 sequence (NC_000946), for newly discovered RNA features the positions on the B. subtilis 168 genome are indicated
- 2 Gene expression ratio of the genome-reduced strain compared to *Bacillus subtilis* Δ6
- 3 Benjamini Hochberg corrected P-Value

Upregulated genes

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU00120	pdxT		1		SpoA	2,04	0,01
BSU00490	spoVG		1 SigH		AbrB, SinR	3,28	0,00
BSU01580	ybaR		1			5,44	0,00
BSU01650	ybbC		-1			2,11	0,03
BSU01670	amiE		-1			3,67	0,02
BSU01680	murP		-1			5,80	0,00
BSU01690	murR		-1			2,22	0,02
BSU01700	murQ		-1			2,34	0,03
BSU01710	ybbJ		-1			2,69	0,01
BSU02220	ybfI		-1			2,41	0,00
BSU02340	gltP		-1			4,17	0,00
BSU03200	putB		1 SigA	PutR, SpoA	CodY	140,29	0,00
BSU03210	putC		1 SigA	PutR, SpoA	CodY	136,19	0,00
BSU03420	nin		-1	ComK		3,93	0,00
BSU03430	nucA		-1	ComK		2,65	0,01
BSU03450	hxlB		-1	HxlR		2,80	0,05
BSU03460	hxlA		-1	HxlR		2,57	0,04
BSU03470	hxlR		1			2,78	0,01
BSU05380	ydfE		-1			2,07	0,02
BSU05480	mhqN		1		MhqR	7667,02	0,00
BSU05490	mhqO		1		MhqR	5920,59	0,00
BSU05500	mhqP		1		MhqR	755,45	0,00
BSU05510	ydfQ		1			152,52	0,00
BSU05540	ydfS		1 SigG			3,41	0,00
BSU06170	fruC		1			2,73	0,00
BSU07700	nagP		1		NagR	2,55	0,00
BSU07840	yfkN		-1	PhoP	CcpA	7,69	0,00
BSU08470	yfhB		1			2,66	0,01
BSU08490	yfhD		-1 SigB			3,24	0,01
BSU08500	yfhE		-1 SigB			3,41	0,00
BSU08510	yfhF		-1 SigB			4,44	0,00
BSU08630	mutY		1		YfhP	2,09	0,00
BSU08779	ygZC		-1			3,07	0,01
BSU_misc_RNA_11	Thi-box upstream of		1			2,03	0,01
BSU08980	yhbH		1 SigE			2,04	0,01
BSU08990	yhbl		1			5,46	0,00
BSU09000	yhbJ		1			5,32	0,00
BSU09010	yhcA		1			5,50	0,00
BSU09020	yhcB		1			5,18	0,00
BSU09030	yhcC		1			5,39	0,00
BSU09190	yhcR		1			2,56	0,00
new_1013861_1013: S326			1			2,51	
BSU09420	lytE		1 SigH, SigI	WalR	SpoA	3,14	0,00
BSU09490	yhdJ		1			2,74	0,01
BSU09670	dat		1			2,30	0,00
BSU09880	yhaR		1		CcpA	2,45	0,05
BSU10020	serC		-1			2,77	0,00
BSU10070	sndC		-1			2,10	0,01
BSU10180	yhfC		1			4,30	0,00
BSU10420	comK		1	ComK, DegU, SpoA	AbrB, CodY, Rok	18,01	0,00

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio P538 ²	BH P-Value ³
BSU01580	ybaR		1			4,34	0,00
BSU01670	amiE		-1			3,03	0,04
BSU01680	murP		-1			4,29	0,00
BSU01710	ybbJ		-1			2,06	0,02
BSU02220	ybfI		-1			2,10	0,00
BSU03200	putB		1 SigA	PutR, SpoA	CodY	12,77	0,00
BSU03210	putC		1 SigA	PutR, SpoA	CodY	14,45	0,00
BSU03470	hxlR		1			2,19	0,02
BSU04230	amj		1 SigM			8,08	0,00
BSU05380	ydfE		-1			2,23	0,01
BSU05470	ydfM		-1			2,12	0,01
BSU05480	mhqN		1		MhqR	7129,20	0,00
BSU05490	mhqO		1		MhqR	5508,90	0,00
BSU05500	mhqP		1		MhqR	748,53	0,00
BSU05510	ydfQ		1			130,40	0,00
BSU05540	ydfS		1 SigG			3,02	0,01
BSU07700	nagP		1		NagR	2,27	0,00
BSU07840	yfkN		-1	PhoP	CcpA	4,14	0,00
BSU08490	yfhD		-1 SigB			3,75	0,00
BSU08500	yfhE		-1 SigB			3,87	0,00
BSU08510	yfhF		-1 SigB			4,76	0,00
BSU08730	perR		1		PerR	2,34	0,00
BSU08779	ygZC		-1			2,08	0,03
BSU08820	kata		-1		PerR	16,38	0,00
BSU08990	yhbl		1			6,28	0,00
BSU09000	yhbJ		1			5,92	0,00
BSU09010	yhcA		1			6,20	0,00
BSU09020	yhcB		1			6,07	0,00
BSU09030	yhcC		1			6,43	0,00
new_1013861_1013: S326			1			2,12	
BSU09420	lytE		1 SigH, SigI	WalR	SpoA	3,12	0,00
BSU10420	comK		1	ComK, DegU, SpoA	AbrB, CodY, Rok	14,60	0,01

BSU10570 yhjN -1 2,67 0,00

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU11430	oppA	1		TnrA	CodY, ScoC	2,84	0,03
BSU11440	oppB	1		TnrA	CodY, ScoC	3,52	0,02
BSU11450	oppC	1		TnrA	CodY, ScoC	3,55	0,02
BSU11460	oppD	1		TnrA	CodY, ScoC	3,02	0,01
BSU11470	oppF	1				3,10	0,01
BSU11530	coiA	1				8,25	0,00
BSU11839	yjzE	1	SigB			8,44	0,00
BSU_misc_RNA_15	S-box upstream of m	1				6,48	0,01
BSU11870	metI	1			S-box (termination)	2,60	0,02
BSU11880	metC	1				2,71	0,02
BSU11890	yjck	-1				3,83	0,00
BSU12000	manR	1		ManR	CcpA	42,09	0,00
BSU12080	ctaO	-1			AbrB	12,20	0,00
BSU12870	mhqA	1			MhqR	48,54	0,00
BSU12920	dppA	1			CodY	3,15	0,02
BSU12930	dppB	1			CodY	4,25	0,00
BSU13070	ykkA	1				3,21	0,02
BSU13080	ykkB	1				5,05	0,00
BSU13180	metE	-1			S-box (termination)	2,38	0,03
BSU_misc_RNA_18	S-box upstream of m	-1				3,72	0,00
BSU13190	ispA	-1			CodY	2,32	0,01
BSU13470	sspD	-1	SigG			2,42	0,02
BSU13520	ykrP	-1				5,27	0,00
BSU13530	kinE	1				5,27	0,01
BSU13550	mtnA	-1			S-box (termination)	5,47	0,00
BSU13560	mtnK	-1			S-box (termination)	5,68	0,00
BSU_misc_RNA_20	S-box upstream of m	-1				4,31	0,01
BSU13570	mtnU	-1				3,38	0,00
BSU13580	mtnE	1				3,92	0,01
BSU_misc_RNA_21	S-box upstream of m	1				3,59	0,01
BSU13590	mtnW	1			S-box (termination)	3,14	0,00
BSU13600	mtnX	1			S-box (termination)	3,07	0,00
BSU13610	mtnB	1			S-box (termination)	3,14	0,01
BSU13620	mtnD	1			S-box (termination)	3,26	0,01
BSU13840	stoA	1	SigE, SigG			12,86	0,00
BSU14460	ykpC	-1	SigI	WalR		3,16	0,01
BSU14470	mreBH	-1	SigI	WalR		3,27	0,00
BSU14620	slp	-1				2,85	0,02
BSU14800	ylaJ	-1	SigG			2,40	0,04
BSU15340	ylmA	1			CodY	2,70	0,02
BSU16110	dprA	1		ComK		3,57	0,00
BSU17320	ymaF	1				54,75	0,00
BSU17340	hfq	1				2,29	0,00
BSU17920	ynzD	-1			AbrB	2,59	0,00
BSU18000	citB	1			CcpA, CcpC, CodY, Fs	4,64	0,00
BSU18010	yneN	1			CcpA, CcpC, CodY, Fs	3,77	0,00
new_1937876_1938/S673		-1				3,88	
BSU18110	ynfC	-1				3,88	0,00
BSU18130	bglC	1				2,51	0,00
BSU18350	dacC	-1	SigH, SigB			5,45	0,00
BSU18360	galM	-1	SigH, SigB			4,22	0,00
BSU18470	proJ	-1				2,09	0,01
BSU18480	proH	-1				2,24	0,01
BSU18830	pps	-1				2,70	0,00
BSU19090	yobU	-1				3,29	0,05

BSU10860 yisT -1 2,42 0,01

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio P538 ²	BH P-Value ³
BSU11500	spx	1	SigB, SigM, SigW, SigX		PerR	3,00	0,00
new_1233399_1233/S415		1				2,01	
BSU11839	yjzE	1	SigB			9,14	0,00
BSU12000	manR	1		ManR	CcpA	47,48	0,00
BSU12080	ctaO	-1			AbrB	13,09	0,00
BSU12870	mhqA	1			MhqR	52,61	0,00
BSU13190	ispA	-1			CodY	2,02	0,01
BSU13440	ykoY	1		yybP-ykoY motif		2,53	0,01
BSU13470	sspD	-1	SigG			3,19	0,01
BSU13520	ykrP	-1				8,04	0,00
BSU13530	kinE	1				2,94	0,03
BSU13550	mtnA	-1			S-box (termination)	2,07	0,04
BSU13560	mtnK	-1			S-box (termination)	2,15	0,03
BSU13840	stoA	1	SigE, SigG			14,19	0,00
new_1454795_1455/S503		-1				2,95	
BSU13970	ykwD	-1				5,50	0,00
BSU13990	kinA	1	SigH	SpoA	stringent response	2,13	0,01
BSU14460	ykpC	-1	SigI	WalR		2,74	0,01
BSU14470	mreBH	-1	SigI	WalR		2,74	0,00
BSU14620	slp	-1				3,61	0,01
BSU17310	ymaG	-1	SpoIVCB	GerE		2,14	0,02
BSU17320	ymaF	1				68,62	0,00
BSU17340	hfq	1				2,05	0,00
BSU17920	ynzD	-1			AbrB	2,98	0,01
BSU18000	citB	1			CcpA, CcpC, CodY, Fs	2,53	0,00
BSU18010	yneN	1			CcpA, CcpC, CodY, Fs	2,11	0,01
new_1937876_1938/S673		-1				4,86	
BSU18110	ynfC	-1				4,77	0,00
BSU18350	dacC	-1	SigH, SigB			3,10	0,01
BSU18360	galM	-1	SigH, SigB			2,39	0,02
BSU18470	proJ	-1				5,01	0,00
BSU18480	proH	-1				5,17	0,00
BSU18830	pps	-1				2,61	0,00
BSU19130	yocA	1				2,09	0,00
BSU19180	des	1		DesR		8,87	0,02
BSU19190	desK	1				2,59	0,04
BSU19200	desR	1				2,33	0,05

BSU19400	yojM	-1	SigD, SigH	Abh, AbrB, CcpA	4,82	0,00	
BSU19410	cwlS	-1	SigD, SigH	Abh, AbrB, CcpA	8,33	0,00	
BSU19420	yojK	-1			51,80	0,00	
BSU21750	ypmQ	-1			2,65	0,01	
Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU21760	ypmP	-1			CodY	2,23	0,01
BSU21770	ilvA	-1			CodY	3,05	0,01
BSU21890	ypgQ	-1				2,02	0,01
BSU22570	ypjF	-1			CcpA	2,45	0,01
BSU22660	trpC	-1			TRAP (termination)	3,49	0,01
BSU23070	serA	1				3,98	0,00
BSU23250	ribH	-1			FMN-box (terminatic)	2,11	0,01
BSU23260	ribA	-1			FMN-box (terminatic)	2,24	0,01
BSU23270	ribE	-1			FMN-box (terminatic)	2,41	0,01
BSU23280	ribD	-1			FMN-box (terminatic)	2,42	0,01
BSU23740	yqjU	1				2,16	0,03
BSU23810	yqjN	-1				2,51	0,01
BSU24010	bmr	1	SigB	BmrR, Mta		4,13	0,00
BSU24550	gcvPB	-1			Gly-box (terminator)	28,06	0,00
BSU24560	gcvPA	-1			Gly-box (terminator)	27,95	0,00
BSU24570	gcvT	-1			Gly-box (terminator)	16,86	0,00
BSU_misc RNA 38	Gly-box upstream of	-1				3,52	0,00
BSU24660	yqzE	-1		ComK		60,81	0,00
BSU24670	comGG	-1		ComK		74,36	0,00
BSU24680	comGF	-1		ComK		170,65	0,00
BSU24690	comGE	-1		ComK		154,96	0,00
BSU24700	comGD	-1		ComK		246,74	0,00
BSU24710	comGC	-1		ComK		214,37	0,00
BSU24720	comGB	-1		ComK		271,39	0,00
BSU24730	comGA	-1		ComK		171,54	0,00
BSU24910	yqgM	-1				3,22	0,01
BSU24920	yqgL	-1				3,35	0,00
BSU24950	pstBB	-1		PhoP		55,83	0,00
BSU24960	pstBA	-1		PhoP		57,04	0,00
BSU24970	pstA	-1		PhoP		99,66	0,00
BSU24980	pstC	-1		PhoP		102,50	0,00
BSU24990	pstS	-1		PhoP		134,68	0,00
BSU25110	yqfU	-1	SigG			2,20	0,00
BSU25220	antE	1			AbrB	2,53	0,02
BSU25570	comEC	-1		ComK, ComN (post-translational control)		25,39	0,00
BSU25580	comEB	-1		ComK, ComN (post-translational control)		2,40	0,00
BSU25590	comEA	-1		ComK, ComN (post-translational control)		52,56	0,00
BSU25690	sda	1		DnaA	LexA	3,28	0,00
BSU26440	yrkO	1			YrkP	2,63	0,00
BSU26850	yrpG	1				4,12	0,00
BSU27100	yrhP	-1				2,73	0,00
BSU27120	sigV	1	SigV			2,14	0,01
new_2779165_2779	S1027	-1				3,13	
BSU27200	yrhG	-1				3,07	0,00
new_2780331_2780	S1029	-1				2,59	
BSU27210	yrhF	-1				2,37	0,00
BSU27220	yrhE	1				12,68	0,00
BSU27230	yrhD	1				11,29	0,00
new_2840767_2840	pipA	-1				23,58	0,00
BSU27800	yrzH	1				2,33	0,01
BSU27809	yrzT	1				2,35	0,01

BSU19400	yojM	-1	SigD, SigH	Abh, AbrB, CcpA	2,76	0,01	
BSU19410	cwlS	-1	SigD, SigH	Abh, AbrB, CcpA	4,85	0,00	
BSU19420	yojK	-1			45,13	0,00	
BSU21750	ypmQ	-1			2,19	0,02	
Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PS38 ²	BH P-Value ³
BSU21760	ypmP	-1			CodY	2,57	0,00
BSU22300	yppC	-1				2,84	0,00
BSU23070	serA	1				2,51	0,00
BSU23090	rsiX	-1	SigX	YvrHb		2,03	0,01
BSU23270	ribE	-1			FMN-box (terminatic)	2,03	0,02
BSU23280	ribD	-1			FMN-box (terminatic)	2,05	0,02
BSU23320	ypzC	1				5,14	0,00
BSU23328	ypzJ	-1				2,07	0,01
BSU23810	yqjN	-1				2,35	0,00
BSU23820	yqjM	1				2,50	0,00
BSU24010	bmr	1	SigB	BmrR, Mta		3,31	0,00
BSU24210	yqjG	1				2,37	0,00
BSU24550	gcvPB	-1			Gly-box (terminator)	4,12	0,00
BSU24560	gcvPA	-1			Gly-box (terminator)	4,17	0,00
BSU24570	gcvT	-1			Gly-box (terminator)	2,83	0,01
BSU_misc RNA 38	Gly-box upstream of	-1				2,22	0,01
BSU24660	yqzE	-1		ComK		19,57	0,00
BSU24670	comGG	-1		ComK		23,15	0,00
BSU24680	comGF	-1		ComK		51,97	0,00
BSU24690	comGE	-1		ComK		48,12	0,00
BSU24700	comGD	-1		ComK		73,45	0,00
BSU24710	comGC	-1		ComK		63,63	0,00
BSU24720	comGB	-1		ComK		79,96	0,00
BSU24730	comGA	-1		ComK		51,93	0,00
BSU24910	yqgM	-1				2,44	0,04
BSU24920	yqgL	-1				2,94	0,01
BSU24950	pstBB	-1		PhoP		52,09	0,00
BSU24960	pstBA	-1		PhoP		52,10	0,00
BSU24970	pstA	-1		PhoP		91,62	0,00
BSU24980	pstC	-1		PhoP		94,92	0,00
BSU24990	pstS	-1		PhoP		118,49	0,00
BSU25060	yqfZ	1	SigE			3,76	0,04
BSU25110	yqfU	-1	SigG			2,65	0,00
BSU25220	antE	1			AbrB	3,51	0,01
BSU25570	comEC	-1		ComK, ComN (post-translational control)		8,24	0,00
BSU25590	comEA	-1		ComK, ComN (post-translational control)		12,67	0,01
BSU25690	sda	1		DnaA	LexA	2,81	0,01
BSU26410	yrkR	-1			YrkP	4,37	0,00
BSU26420	yrkQ	-1			YrkP	3,29	0,00
BSU26430	yrkP	-1			YrkP	3,52	0,00
BSU26440	yrkO	1			YrkP	17,59	0,00
BSU26450	yrkN	1			YrkP	7,99	0,00
BSU26850	yrpG	1				2,91	0,01
BSU27280	yrrT	-1		Spx	CymR	5,94	0,05
BSU_misc RNA_41	bsrA	-1				2,00	0,01
new_2840767_2840	pipA	-1		PhoP		33,90	0,00
BSU27800	yrzH	1				3,15	0,01
BSU27809	yrzT	1				3,18	0,01

BSU28040	radC	-1	ComK	2,73	0,01
BSU28050	maf	-1	ComK	3,92	0,00
BSU28060	spolIB	-1		4,54	0,00
BSU28070	comC	-1	ComK	13,04	0,00

BSU_misc RNA 45 T-box upstream of ih -1 3,09 0,04

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU28490	uvrC	-1			LexA	2,06	0,01
new_2913380_2913: S1078		-1				2,52	
BSU28510	abf2	-1			AraR, CcpA	22,97	0,00
BSU28560	lcfA	-1			CcpA, FadR	2,04	0,01
BSU28650	ysgA	-1				2,43	0,00
BSU28920	lytT	-1				2,06	0,01
BSU28930	lytS	-1				2,11	0,00
BSU28940	ysaA	1				3,25	0,00
BSU29100	phoR	-1	SigB, SigE	PhoP	CcpA	2,06	0,00
BSU29110	phoP	-1	SigB, SigE	PhoP	CcpA	2,53	0,00
BSU29120	mdh	-1			CitB (control of mRN CcpA, CcpC)	4,54	0,00
BSU29130	icd	-1			CitB (control of mRN CcpA, CcpC)	4,26	0,00
BSU29140	citZ	-1			CitB (control of mRN CcpA, CcpC)	9,55	0,00
BSU29239	ytrH	1	SigE			2,26	0,04
BSU29240	ytrI	1	SigE			3,16	0,00
BSU29249	ytzJ	1	SigE			6,21	0,00
BSU29260	ytpl	1				2,90	0,00
BSU29320	cmoI	-1		AscR	CymR	2,37	0,05
BSU29400	ascR	1			CymR	3,55	0,03
BSU29460	moaB	-1				2,37	0,00
BSU29620	hisJ	1				2,06	0,01
BSU29630	refZ	-1		PhoP, SpoA	CcpA	4,50	0,00
BSU30020	ytzE	1				2,00	0,03
BSU30270	msmE	1			CcpA	2,37	0,01
BSU30780	menC	-1				3,29	0,00
BSU30790	menE	-1				3,41	0,00
BSU30800	menB	-1				2,17	0,00
BSU30810	ytXM	-1				4,07	0,00
BSU31050	gbsB	-1			GbsR	7,06	0,00
BSU31060	gbsA	-1			GbsR	7,91	0,00
BSU31150	yubB	-1				2,82	0,00
BSU31160	yubA	-1				4,44	0,00
BSU31450	kinB	1		stringent response	CodY	2,13	0,03
BSU31670	yuxO	-1				2,38	0,00
BSU32090	yuiA	-1			CodY	2,23	0,01
BSU32140	paIB	-1				320,50	0,00
BSU32150	paIA	-1				520,16	0,00
BSU32200	yutJ	1				3,63	0,00
BSU32230	yuxL	-1				2,07	0,01
BSU32240	thrB	-1			CodY, ThrR	4,72	0,00
BSU32250	thrC	-1			CodY, ThrR	4,64	0,00
BSU32260	hom	-1			CodY, ThrR	4,58	0,00
BSU32330	lipA	-1				4,02	0,00
BSU32719	yuzK	-1				2,17	0,00
BSU32760	yusD	-1		SpoA		3,40	0,00
BSU32770	yusE	-1		SpoA		2,92	0,00
BSU32780	yusF	-1		SpoA		2,28	0,00
BSU32890	yusQ	-1				3,56	0,00
BSU32900	yusR	-1				3,28	0,03
BSU32910	yusS	-1				3,88	0,03
BSU32920	yusT	1				2,84	0,00
BSU32980	yusZ	1				2,33	0,01
BSU33240	oxdC	1	Yvri-YvriHa			4,98	0,00
BSU33370	yvgK	-1				2,32	0,01

BSU28040	radC	-1	ComK		2,63	0,01
BSU28050	maf	-1	ComK		3,49	0,00
BSU28060	spolIB	-1			2,05	0,02
BSU28070	comC	-1	ComK		5,50	0,02
BSU28170	hemA	-1		PerR	2,59	0,00

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PS38 ²	BH P-Value ³
BSU_trNA_84	trnSL-Arg2	-1				8,76	0,01
BSU28490	uvrC	-1			LexA	2,13	0,01
new_2913380_2913: S1078		-1				3,09	
BSU28510	abf2	-1			AraR, CcpA	26,99	0,00
BSU28650	ysgA	-1				2,21	0,00
BSU28940	ysaA	1				2,45	0,00
BSU29110	phoP	-1	SigB, SigE	PhoP	CcpA	2,22	0,00
BSU29120	mdh	-1			CitB (control of mRN CcpA, CcpC)	3,00	0,00
BSU29130	icd	-1			CitB (control of mRN CcpA, CcpC)	2,65	0,00
BSU29140	citZ	-1			CitB (control of mRN CcpA, CcpC)	5,76	0,00
BSU29240	ytrI	1	SigE			2,66	0,00
BSU29249	ytzJ	1	SigE			4,95	0,00
BSU29260	ytpl	1				2,56	0,00
BSU29630	refZ	-1		PhoP, SpoA	CcpA	3,85	0,01
BSU30780	menC	-1				2,96	0,00
BSU30790	menE	-1				2,97	0,00
BSU30810	ytXM	-1				3,42	0,00
BSU31050	gbsB	-1			GbsR	3,84	0,00
BSU31060	gbsA	-1			GbsR	3,98	0,01
BSU31150	yubB	-1				2,67	0,00
BSU31160	yubA	-1				4,14	0,00
BSU31480	yuxJ	1				2,56	0,05
BSU31670	yuxO	-1				2,36	0,00
BSU32140	paIB	-1				272,13	0,00
BSU32150	paIA	-1				436,60	0,00
BSU32200	yutJ	1				2,99	0,00
BSU32240	thrB	-1			CodY, ThrR	2,24	0,02
BSU32250	thrC	-1			CodY, ThrR	2,21	0,02
BSU32260	hom	-1			CodY, ThrR	2,18	0,02
BSU32320	yutC	1				2,24	0,03
BSU32330	lipA	-1				6,30	0,00
BSU32690	sufS	-1				2,11	0,00
BSU32700	sufD	-1				2,25	0,00
BSU32710	yurY	-1				2,17	0,00
BSU32719	yuzK	-1				2,18	0,00
BSU32760	yusD	-1		SpoA		2,81	0,00
BSU32770	yusE	-1		SpoA		2,44	0,00
BSU32890	yusQ	-1				2,83	0,00
BSU32900	yusR	-1				2,73	0,03
BSU32910	yusS	-1				3,20	0,04
BSU32920	yusT	1				2,74	0,00
BSU32990	mrgA	1			PerR	3,09	0,00
BSU33240	oxdC	1	Yvri-YvriHa			3,72	0,00

BSU33380	yvgL	1				20,74	0,00
BSU33390	yvgM	1				20,16	0,00
BSU33540	azoR2	-1 SigG		MhqR		151,81	0,00
BSU33640	yvaM	1		RghR		4,22	0,00
BSU34200	sigL	-1		CcpA		2,26	0,01
BSU34390	pnbA	1		AbrB		22,27	0,00

BSU34990	igt	-1				2,23	0,00
Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU35000	hprK	-1				2,34	0,00
BSU35310	yvyD	-1 SigB, SigH		PhoP		5,48	0,00
BSU35430	flgM	-1 SigD		ComK		2,06	0,05
BSU35440	yvyF	-1 SigD		ComK		2,12	0,04
BSU35450	comFC	-1		ComK		3,86	0,00
BSU35460	comFB	-1		ComK		3,89	0,00
BSU35470	comFA	-1		ComK		27,90	0,00

BSU35570	tuaE	-1				2,12	0,02
BSU35580	tuaD	-1				3,17	0,00
BSU35590	tuaC	-1				3,09	0,01
BSU35600	tuaB	-1				5,33	0,00
BSU35609	tuaA/1	-1				7,69	0,00
BSU35610	tuaA/2	-1		PhoP		8,95	0,00
BSU36000	alsD	-1		AlsR, stringent respo	Rex	5,22	0,00
BSU36010	alsS	-1		AlsR, stringent respo	Rex	5,32	0,00
BSU36030	ywrK	1				2,19	0,03
BSU36250	ptkA	-1			AbrB	2,85	0,00
BSU36260	tkmA	-1			AbrB	3,64	0,00
BSU36310	ssbB	-1		ComK		50,68	0,00
BSU36470	pucI	-1		PucR		20,60	0,00
BSU36480	ywoD	-1			YtrA	30,97	0,00
BSU36490	ywoC	-1			YtrA	35,27	0,00
BSU36500	ywoB	-1			YtrA	58,82	0,00

BSU37030	racA	1 SigH		SpoA		2,06	0,00
BSU37040	ywkB	-1		MalR		3,18	0,01
BSU37050	maeA	-1		MalR		3,71	0,01
BSU37250	narI	-1		Fnr		10,54	0,02
BSU37260	narJ	-1				7,95	0,01
BSU37270	narH	-1				7,97	0,01
BSU37760	rocC	-1 SigL		AhrC, RocR	AbrB, CodY	54,31	0,00
BSU37770	rocB	-1 SigL		AhrC, RocR	AbrB, CodY	192,63	0,00
BSU37780	rocA	-1 SigL		AhrC, RocR	AbrB, CodY	1411,19	0,00
BSU37790	rocG	-1 SigL		AhrC, RocR	AbrB, CodY	70,13	0,00
BSU38080	ywcl	-1			DnaA	7,33	0,00
BSU38130	ywcE	1			AbrB	2,18	0,01

BSU38340	ywbF	1			AbrB	2,97	0,00
BSU38410	sacX	1		SacY (antitermination)		2,02	0,00
BSU38470	ywaD	1				2,97	0,01
BSU38730	cydD	-1		ResD	CcpA, Rex	5,82	0,00
BSU38740	cydC	-1		ResD	CcpA, Rex	4,92	0,02

BSU39330	abn2	-1 SigH			CcpA	3,11	0,00
BSU40320	rocF	-1 SigL		AhrC, RocR	CodY, SpoA	10,30	0,00
BSU40330	rocE	-1 SigL		AhrC, RocR	CodY, SpoA	16,90	0,00
BSU40340	rocD	-1 SigL		AhrC, RocR	CodY, SpoA	49,30	0,00
BSU40870	ccpB	-1 SigG				2,14	0,02
BSU40980	yyaB	1				4,01	0,00
new_4215473_4215: S1583		1				10,25	

BSU33380	yvgL	1				21,68	0,00
BSU33390	yvgM	1				20,94	0,00
BSU33540	azoR2	-1 SigG		MhqR		168,71	0,00

BSU33830	opuCA	-1		RemA	OpcR	2,33	0,05
BSU34390	pnbA	1			AbrB	17,64	0,00
BSU34990	igt	-1				2,12	0,00
Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio P538 ²	BH P-Value ³
BSU35000	hprK	-1				2,13	0,00

BSU35470	comFA	-1		ComK		7,26	0,02
----------	-------	----	--	------	--	------	------

BSU35580	tuaD	-1				2,04	0,05
BSU35590	tuaC	-1				2,28	0,04
BSU35600	tuaB	-1				2,69	0,03
BSU35609	tuaA/1	-1				4,93	0,01
BSU35610	tuaA/2	-1		PhoP		5,51	0,00
BSU36000	alsD	-1		AlsR	Rex, stringent respo	2,83	0,00
BSU36010	alsS	-1		AlsR	Rex, stringent respo	3,01	0,00
BSU36030	ywrK	1				3,02	0,01

BSU36260	tkmA	-1			AbrB	2,14	0,02
BSU36310	ssbB	-1		ComK		13,98	0,00
BSU36470	pucI	-1		PucR		10,99	0,00
BSU36480	ywoD	-1			YtrA	22,01	0,00
BSU36490	ywoC	-1			YtrA	24,53	0,00
BSU36500	ywoB	-1			YtrA	41,07	0,00
BSU36580	ywnF	-1				2,29	0,02

BSU37040	ywkB	-1		MalR		3,62	0,00
BSU37050	maeA	-1		MalR		4,00	0,01

BSU37760	rocC	-1 SigL		AhrC, RocR	AbrB, CodY	5,34	0,12
BSU37770	rocB	-1 SigL		AhrC, RocR	AbrB, CodY	13,88	0,06
BSU37780	rocA	-1 SigL		AhrC, RocR	AbrB, CodY	98,37	0,03

BSU38080	ywcl	-1			DnaA	7,48	0,00
----------	------	----	--	--	------	------	------

BSU38240	ywcA	1 SigE				8,49	0,00
BSU38250	ywbO	-1 SigM, SigW, SigX				82,72	0,00
BSU38340	ywbF	1			AbrB	2,09	0,02

BSU38730	cydD	-1		ResD	CcpA, Rex	3,75	0,01
----------	------	----	--	------	-----------	------	------

BSU39040	yxjS	-1 SigB				2,77	0,04
BSU39060	citH	1			comEA	6,53	0,00

new_4215473_4215: S1583		1				2,59	
-------------------------	--	---	--	--	--	------	--

Downregulated genes

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU01480	truA	1			stringent response	0,44	0,01
BSU01730	sigW	1	SigW		AbrB	0,46	0,03
BSU01740	rsiW	1	SigW		AbrB	0,42	0,03
BSU02130	glpQ	-1	SigA	GlpP (antiterminatio	CcpA	0,15	0,00
BSU02140	glpT	-1	SigA	GlpP (antiterminatio	CcpA	0,10	0,00
BSU02150	ybeF	1				0,47	0,02
BSU02350	gamP	-1			GamR	0,33	0,01
BSU02360	gamA	-1			GamR	0,33	0,01
BSU02700	lip	1			AbrB	0,49	0,03
BSU02850	znuA	1	SigA		Zur	0,42	0,05
BSU03070	mdr	-1				0,42	0,00
BSU03240	ycgQ	-1	SigM			0,49	0,01
BSU03330	nasA	1		TnrA		0,24	0,02
BSU03480	srfAA	1		ComA, PerR, PhoP	Abh, Cody, Spx	0,01	0,00
BSU03490	srfAB	1		ComA, PerR, PhoP	Abh, Cody, Spx	0,01	0,00
BSU03500	comS	1		ComA, PerR, PhoP	Abh, Cody, Spx	0,11	0,00
BSU03510	srfAC	1		ComA, PerR, PhoP	Abh, Cody, Spx	0,02	0,00
BSU03520	srfAD	1		ComA, PerR, PhoP	Abh, Cody, Spx	0,03	0,00
BSU03530	ycxA	1		ComA		0,24	0,00
BSU03630	bsdB	1		BsdA		0,41	0,03
BSU04230	amj	1	SigM			0,28	0,01
BSU04270	ydaJ	1	SigB			0,25	0,00
BSU04280	ydaK	1	SigB			0,25	0,01
BSU04290	ydaL	1	SigB			0,25	0,00
BSU04300	ydaM	1	SigB			0,25	0,00
BSU04310	ydaN	1	SigB			0,27	0,00
BSU04360	mntH	-1			MntR	0,39	0,00
BSU04470	dctP	1			CcpA, FsrA (translati	0,30	0,00
BSU04750	ydcF	1				0,45	0,00
BSU05310	ydeR	-1				0,35	0,00
BSU05340	aseA	1		AseR		0,48	0,00
BSU05344	ydZ/2	1				0,45	0,00
BSU_misc_RNA_8	A-box of pbuE	-1				0,00	0,00
BSU_misc_RNA_9	G-box upstream of p	1				0,36	0,01

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio P538 ²	BH P-Value ³
BSU00390	yabD	1				0,48	0,00
BSU00430	yabG	1	SpoIVCB			0,43	0,01
BSU00660	yabT	1	SigF			0,46	0,02
BSU01480	truA	1			stringent response	0,38	0,00
BSU01520	ybaK	1	SigG		LexA	0,34	0,01
BSU02130	glpQ	-1	SigA	GlpP (antiterminatio	CcpA	0,14	0,00
BSU02140	glpT	-1	SigA	GlpP (antiterminatio	CcpA	0,09	0,00
BSU02150	ybeF	1				0,44	0,00
BSU02350	gamP	-1			GamR	0,29	0,00
BSU02360	gamA	-1			GamR	0,28	0,00
BSU02400	ybgF	-1				0,42	0,04
BSU02540	ycbK	1	SigA	T-box	TRAP	0,45	0,00
BSU02660	ycbU	1				0,23	0,00
BSU02700	lip	1			AbrB	0,32	0,01
BSU02750	natA	1		NatR		0,34	0,00
BSU02760	natB	1		NatR		0,26	0,01
BSU02810	cwlK	-1				0,45	0,01
BSU02840	ycdG	1	SigB			0,14	0,05
BSU02850	znuA	1	SigA		Zur	0,35	0,02
BSU02860	znuC	1	SigA		Zur	0,47	0,02
BSU02870	znuB	1	SigA		Zur	0,45	0,01
BSU03240	ycgQ	-1	SigM			0,48	0,01
BSU03250	ycgR	-1	SigM			0,48	0,01
BSU03330	nasA	1		TnrA		0,21	0,01
BSU03440	tlpC	-1	SigD			0,31	0,03
BSU04270	ydaJ	1	SigB			0,23	0,00
BSU04280	ydaK	1	SigB			0,21	0,00
BSU04290	ydaL	1	SigB			0,22	0,00
BSU04300	ydaM	1	SigB			0,21	0,00
BSU04310	ydaN	1	SigB			0,25	0,00
BSU05040	yddN	-1				0,36	0,03
BSU05060	lrpB	-1				0,27	0,01
BSU05190	ydeG	1				0,40	0,01
BSU05310	ydeR	-1				0,42	0,01
BSU05340	aseA	1		AseR		0,50	0,00
BSU05344	ydZ/2	1				0,50	0,00
BSU_misc_RNA_8	A-box of pbuE	-1				0,00	0,00
BSU_misc_RNA_9	G-box upstream of p	1				0,39	0,01

BSU06370	pbuG	1			G-box (termination),	0,26	0,00
BSU_misc_RNA_10	G-box upstream of p	1				0,49	0,00

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU07350	yfmT	1	SigD			0,12	0,00
BSU07360	yfmS	1	SigD			0,11	0,00

BSU07560	pel	1		ComA	CcpA, TnrA	0,01	0,00
BSU07620	yfIN	1		CitT	CcpA	0,45	0,04
BSU07800	treP	1		PhoP	CcpA, TreR	0,14	0,00
BSU07810	treA	1		PhoP	CcpA, TreR	0,17	0,00
BSU08100	acoR	1			CcpA	0,37	0,01
BSU08760	spoM	-1	SigH, SigW			0,46	0,03
BSU08910	queG	1				0,31	0,00
BSU08920	yhbB	1				0,24	0,00
BSU09280	glpF	1		AbrB, GlpP (antiterr)	CcpA	0,15	0,00
BSU09290	glpK	1		AbrB, GlpP (antiterr)	CcpA	0,17	0,00
BSU09300	glpD	1		AbrB, GlpP (antiterr)	CcpA	0,20	0,00
BSU09370	lytF	-1	SigD		SlrR	0,15	0,00
BSU09850	khtU	-1				0,45	0,00
BSU09860	khtT	-1				0,44	0,01
BSU10160	yhgE	1				0,45	0,00

BSU10380	hemAT	-1	SigD			0,07	0,00
----------	-------	----	------	--	--	------	------

BSU_misc_RNA_12	S-box upstream of yi	-1				0,03	0,00
-----------------	----------------------	----	--	--	--	------	------

BSU11300	med	1			SpoA	0,12	0,00
BSU11310	comZ	1			SpoA	0,46	0,00
BSU11910	yjcM	-1			AbrB	0,16	0,01

BSU12280	yjC	1			Rex, stringent respor	0,44	0,00
BSU12290	ndh	1			Rex, stringent respor	0,36	0,00
BSU13040	hmp	1		ResD	NsrR	0,31	0,03
BSU13310	tnrA	-1		TnrA	GlnR	0,15	0,00
BSU13420	dgcW	-1				0,20	0,02
BSU13490	htpX	1			Rok, YkrK	0,25	0,00

BSU14630	speA	-1				0,36	0,00
----------	------	----	--	--	--	------	------

BSU15440	ylyA	1	SigG	SpoVT		0,48	0,02
BSU_misc_RNA_28		1				0,36	0,05
BSU15500	pyrC	1		PyrR (antitermination)		0,21	0,05
BSU15510	pyrAA	1		PyrR (antitermination)		0,16	0,04
BSU15520	pyrAB	1		PyrR (antitermination)		0,15	0,03
BSU15530	pyrK	1		PyrR (antitermination)		0,15	0,02
BSU15540	pyrD	1		PyrR (antitermination)		0,14	0,03
BSU15550	pyrF	1		PyrR (antitermination)		0,14	0,02
BSU15560	pyrE	1		PyrR (antitermination)		0,13	0,02
BSU16720	ymxH	1	SigE			0,30	0,01
BSU16880	ymfJ	1				0,50	0,01

BSU06370	pbuG	1			G-box, PurR	0,08	0,00
BSU_misc_RNA_10	G-box upstream of p	1				0,44	0,01
BSU06420	purE	1			G-box, PurR	0,43	0,01
BSU06430	purK	1			G-box, PurR	0,45	0,00
BSU06440	purB	1			G-box, PurR	0,45	0,00
BSU06450	purC	1			G-box, PurR	0,38	0,00
BSU06460	purS	1			G-box, PurR	0,39	0,00
BSU06470	purQ	1			G-box, PurR	0,39	0,01
BSU06480	purL	1			G-box, PurR	0,39	0,01
BSU06490	purF	1			G-box, PurR	0,40	0,01
BSU06500	purM	1			G-box, PurR	0,35	0,00
BSU06510	purN	1			G-box, PurR	0,37	0,00
BSU06520	purH	1			G-box, PurR	0,36	0,00
BSU06530	purD	1			G-box, PurR	0,43	0,01
BSU07300	yfnE	1		SpoIVCB		0,34	0,04

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio P538 ²	BH P-Value ³
BSU07350	yfmT	1	SigD			0,06	0,00
BSU07360	yfmS	1	SigD			0,05	0,00

new_820648_82082	S254	1				0,37	
BSU07560	pel	1		ComA	CcpA, TnrA	0,01	0,00

BSU07800	treP	1		PhoP	CcpA, TreR	0,08	0,02
BSU07810	treA	1		PhoP	CcpA, TreR	0,09	0,02

BSU08910	queG	1				0,25	0,00
BSU08920	yhbB	1				0,16	0,00

BSU09290	glpK	1		AbrB, GlpP	CcpA	0,33	0,04
BSU09300	glpD	1		AbrB, GlpP	CcpA	0,29	0,01
BSU09370	lytF	-1	SigD		SlrR	0,09	0,00
BSU09720	bmrD	1			AbrB, BmrB	0,31	0,05

BSU10170	fabHB	-1			FapR	0,34	0,04
BSU10380	hemAT	-1	SigD			0,05	0,00
BSU10410	yhZC	-1				0,38	0,05
BSU10500	yhgJ	1				0,17	0,01
BSU10850	ioiX	1				0,22	0,00

BSU11120	yitT	1	SigB			0,01	0,00
BSU11130	ipi	1	SigB			0,02	0,00

BSU11910	yjcM	-1	SigD		AbrB	0,06	0,00
BSU11920	yjcN	1			Rok	0,31	0,01
BSU11929	yjzG	1				0,36	0,05
BSU12280	yjC	1			Rex, stringent respor	0,49	0,00
BSU12290	ndh	1			Rex, stringent respor	0,40	0,00
BSU13040	hmp	1		ResD	NsrR	0,36	0,05
BSU13310	tnrA	-1		TnrA	GlnR	0,16	0,00
BSU13420	dgcW	-1				0,20	0,02

BSU13950	mcpC	1	SigD			0,25	0,02
BSU14630	speA	-1				0,44	0,00
BSU15170	spoVD	1	SigE		SpoIIID	0,39	0,05

BSU15500	pyrC	1		PyrR (antitermination)		0,35	0,05
BSU15510	pyrAA	1		PyrR (antitermination)		0,31	0,05
BSU15520	pyrAB	1		PyrR (antitermination)		0,27	0,04
BSU15530	pyrK	1		PyrR (antitermination)		0,26	0,03
BSU15540	pyrD	1		PyrR (antitermination)		0,24	0,03
BSU15550	pyrF	1		PyrR (antitermination)		0,24	0,03
BSU15560	pyrE	1		PyrR (antitermination)		0,23	0,03
BSU16720	ymxH	1	SigE			0,43	0,00

BSU17370	nrdI	1		ResD		0,45	0,00
BSU17380	nrdE	1		ResD		0,46	0,01
BSU17390	nrdF	1		ResD		0,43	0,00
BSU17400	ymaB	1		ResD		0,45	0,01
BSU17420	spoVK	1	SigE, SigK			0,43	0,00
BSU17680	thyA	1				0,16	0,00
BSU18120	alsT	1		TnrA		0,49	0,02
BSU18440	gltB	-1		GltC	FsrA (translation inh)	0,03	0,00
BSU18450	gltA	-1		GltC	FsrA (translation inh)	0,03	0,00
BSU19310	dhaS	1				0,02	0,00
BSU22060	pbuX	-1			G-box (termination),	0,45	0,01
BSU22070	xpt	-1			G-box (termination),	0,46	0,00
new_2349590_2349: S849		1				0,32	

BSU22900	ypfB	-1				0,42	0,01
BSU22910	dgrA	-1				0,41	0,01
BSU23170	spmB	-1	SigE			0,45	0,02
BSU23930	yqjC	-1	SigK	GerE		0,38	0,02

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU23960	artR	-1				0,47	0,01
BSU23970	artQ	-1				0,44	0,01
BSU23980	artP	-1				0,15	0,00
new_2517585_2517: S912		-1				0,28	

new_2647725_2647: S968		-1				0,27	
BSU27770	yrbE	-1				0,40	0,02

BSU28100	ysxE	-1	SigE			0,41	0,02
BSU28900	ysbB	-1				0,16	0,00
BSU28910	ysbA	-1				0,06	0,00
BSU29720	motS	-1				0,34	0,00
BSU29730	motP	-1				0,38	0,00
BSU29990	pbuO	1		PurR		0,41	0,00

BSU_misc RNA 52	ydaO switch upstrea	1				0,14	0,00
BSU31090	ktrA	1			YdaO (riboswitch, tr	0,18	0,00
BSU31100	ktrB	1			YdaO (riboswitch, tr	0,15	0,00
BSU31580	maeN	1		MalR		0,27	0,02
BSU31960	dhbF	-1			AbrB, Fur	0,31	0,03
BSU31970	dhbB	-1			AbrB, Fur	0,45	0,05

BSU32100	yumB	-1				0,24	0,05
BSU32130	guaC	1		CodY	PurR	0,50	0,00

BSU33490	cadA	-1			CzrA	0,21	0,00
BSU33530	yvaA	1	SigB			0,22	0,03
BSU33690	yvaQ	1				0,50	0,02
BSU33870	yvbl	1	SigD			0,44	0,02
BSU33880	yvbJ	-1				0,35	0,01

BSU33950	cggR	-1			CggR	0,45	0,00
BSU_misc RNA 56	T-box upstream of y	-1				0,01	0,00
BSU34830	yvzA	-1		DegU	AbrB	0,18	0,00
BSU34840	yvcB	-1		DegU	AbrB	0,21	0,00
BSU34850	yvcA	-1		DegU	AbrB	0,05	0,00
BSU35620	lytC	-1	SigD		SlrR, YvrHb	0,21	0,00
BSU35630	lytB	-1	SigD		SlrR, YvrHb	0,19	0,00
BSU35640	lytA	-1	SigD		SlrR, YvrHb	0,18	0,00

BSU35679	yvzH	-1				0,29	0,00
BSU35680	ggaB	-1				0,25	0,00

BSU17370	nrdI	1		ResD		0,35	0,00
BSU17380	nrdE	1		ResD		0,34	0,00
BSU17390	nrdF	1		ResD		0,33	0,00
BSU17400	ymaB	1		ResD		0,37	0,00
BSU17420	spoVK	1	SigE, SpoIVCB			0,42	0,00
BSU17680	thyA	1				0,24	0,00
BSU18120	alsT	1		TnrA		0,49	0,01

BSU19310	dhaS	1				0,02	0,00
BSU22060	pbuX	-1			G-box (termination),	0,14	0,00
BSU22070	xpt	-1			G-box (termination),	0,17	0,00

BSU22860	yphA	-1	SigF			0,35	0,03
BSU22900	ypfB	-1				0,30	0,00
BSU22910	dgrA	-1				0,32	0,00

BSU23930	yqjC	-1	SigK	GerE		0,32	0,01
----------	------	----	------	------	--	------	------

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PS38 ²	BH P-Value ³
BSU25050	yqgA	-1				0,43	0,00
BSU26470	yrkL	-1				0,50	0,01

BSU27850	nadA	-1			NadR	0,45	0,02
BSU27860	nadC	-1			NadR	0,49	0,03

BSU28900	ysbB	-1				0,15	0,01
BSU28910	ysbA	-1				0,07	0,00
BSU29720	motS	-1				0,34	0,00
BSU29730	motP	-1				0,38	0,00
BSU29900	trmB	-1			PurR	0,00	0,00
BSU30740	mntD	-1				0,19	0,00
BSU30750	mntC	-1				0,19	0,00
BSU30760	mntB	-1				0,20	0,00
BSU30770	mntA	-1			MntR	0,27	0,01

BSU_misc RNA 52	ydaO switch upstrea	1				0,12	0,00
BSU31090	ktrA	1			YdaO riboswitch	0,20	0,00
BSU31100	ktrB	1			YdaO riboswitch	0,19	0,00
BSU31580	maeN	1		MalR		0,21	0,01

BSU32030	yuiG	1			BirA	0,42	0,02
BSU32100	yumB	-1				0,20	0,05

BSU33040	citG	-1				0,45	0,00
BSU33120	liaH	-1				0,39	0,02
BSU33130	liaI	-1		LiaR		0,38	0,03
BSU33490	cadA	-1			CzrA	0,22	0,00
BSU33530	yvaA	1	SigB			0,22	0,03

BSU33870	yvbl	1	SigD			0,27	0,00
BSU33880	yvbJ	-1				0,22	0,00
BSU33890	yvbK	1				0,37	0,01
BSU33950	cggR	-1			CggR	0,42	0,00
BSU_misc RNA 56	T-box upstream of y	-1				0,01	0,00

BSU34830	yvzA	-1		DegU	AbrB	0,18	0,00
BSU34840	yvcB	-1		DegU	AbrB	0,21	0,00
BSU34850	yvcA	-1		DegU	AbrB	0,05	0,00
BSU35620	lytC	-1	SigD		SlrR, YvrHb	0,17	0,00
BSU35630	lytB	-1	SigD		SlrR, YvrHb	0,17	0,00
BSU35640	lytA	-1	SigD		SlrR, YvrHb	0,15	0,00

BSU35650	tagU	1	SigM, SigX			0,35	0,00
BSU35679	yvzH	-1				0,22	0,00
BSU35680	ggaB	-1				0,20	0,00

BSU35690	ggaA	-1				0,26	0,01
BSU35698	yvzI	-1				0,22	0,02
new_3671623_3672: S1368		-1				0,19	

BSU36450	ywoG	1				0,37	0,01
BSU36510	nrgA	1		TnrA		0,11	0,01
BSU36520	nrgB	1		TnrA		0,45	0,02

BSU37180	fadF	-1		FadR		0,32	0,02
----------	------	----	--	------	--	------	------

BSU37460	rapF	1		ComA	CcpA	0,02	0,00
----------	------	---	--	------	------	------	------

BSU37560	thrZ	-1		T-box (antitermination)		0,50	0,03
----------	------	----	--	-------------------------	--	------	------

BSU38100	ywch	-1	SigD		SpoA	0,40	0,00
----------	------	----	------	--	------	------	------

BSU38320	ywbH	1				0,26	0,00
----------	------	---	--	--	--	------	------

BSU38330	ywbG	1				0,27	0,00
----------	------	---	--	--	--	------	------

BSU38450	dtrR	1			DtrR	0,36	0,00
----------	------	---	--	--	------	------	------

BSU_misc_RNA_59	T-box upstream of ty	1				0,35	0,00
-----------------	----------------------	---	--	--	--	------	------

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio PG10 ²	BH P-Value ³
BSU_misc_RNA_60	yxkD riboswitch	-1				0,00	0,00

BSU_misc_RNA_63	G-box of nupG	1				0,00	0,00
-----------------	---------------	---	--	--	--	------	------

BSU39220	wapl	-1		YvrHb	DegU, WalR	0,13	0,00
----------	------	----	--	-------	------------	------	------

BSU40040	yxA	-1			AbrB	0,40	0,02
----------	-----	----	--	--	------	------	------

BSU40050	gntR	1		AbrB	CcpA, GntR	0,43	0,01
----------	------	---	--	------	------------	------	------

BSU40060	gntK	1		AbrB	CcpA, GntR	0,34	0,02
----------	------	---	--	------	------------	------	------

BSU40070	gntP	1		AbrB	CcpA, GntR	0,33	0,02
----------	------	---	--	------	------------	------	------

BSU40080	gntZ	1		AbrB	CcpA, GntR	0,49	0,01
----------	------	---	--	------	------------	------	------

BSU40110	bglA	-1				0,30	0,00
----------	------	----	--	--	--	------	------

BSU40120	yyzE	-1				0,31	0,00
----------	------	----	--	--	--	------	------

BSU40550	ppaC	1				0,14	0,00
----------	------	---	--	--	--	------	------

BSU40940	yyaD	-1	SigE			0,30	0,00
----------	------	----	------	--	--	------	------

BSU35690	ggaA	-1				0,21	0,00
BSU35698	yvzI	-1				0,24	0,02
new_3671623_3672: S1368		-1				0,19	

BSU36390	flhP	-1	SigD			0,47	0,03
----------	------	----	------	--	--	------	------

BSU36400	flhO	-1	SigD			0,47	0,03
----------	------	----	------	--	--	------	------

BSU36450	ywoG	1				0,40	0,01
----------	------	---	--	--	--	------	------

BSU36510	nrgA	1		TnrA		0,11	0,01
----------	------	---	--	------	--	------	------

BSU36520	nrgB	1		TnrA		0,33	0,02
----------	------	---	--	------	--	------	------

BSU36960	ywbB	-1	SigB			0,48	0,01
----------	------	----	------	--	--	------	------

BSU37180	fadF	-1			FadR	0,34	0,02
----------	------	----	--	--	------	------	------

BSU37240	ywiE	-1	SigB			0,15	0,04
----------	------	----	------	--	--	------	------

BSU37460	rapF	1		ComA	CcpA	0,02	0,00
----------	------	---	--	------	------	------	------

BSU38100	ywch	-1	SigD		SpoA	0,39	0,02
----------	------	----	------	--	------	------	------

BSU38320	ywbH	1				0,24	0,00
----------	------	---	--	--	--	------	------

BSU38330	ywbG	1				0,31	0,00
----------	------	---	--	--	--	------	------

BSU38450	dtrR	1			DtrR	0,30	0,00
----------	------	---	--	--	------	------	------

BSU_misc_RNA_59	T-box upstream of ty	1				0,29	0,00
-----------------	----------------------	---	--	--	--	------	------

BSU38460	tyrZ	1			DtrR	0,38	0,00
----------	------	---	--	--	------	------	------

BSU38490	menA	-1				0,30	0,00
----------	------	----	--	--	--	------	------

BSU38550	ywaA	1			CodY	0,10	0,00
----------	------	---	--	--	------	------	------

Locus tag ¹	Gene	Strand	Sigma factor	Activator	Repressor	Ratio P538 ²	BH P-Value ³
BSU_misc_RNA_60	yxkD riboswitch	-1				0,00	0,00

new_3996377_3996: S1495		1				0,09	
-------------------------	--	---	--	--	--	------	--

BSU38930	yxjI	1	SigB		DegU	0,24	0,04
----------	------	---	------	--	------	------	------

BSU38970	yxjF	-1	SigE		CcpA	0,42	0,00
----------	------	----	------	--	------	------	------

BSU39020	nupG	1			G-box	0,10	0,00
----------	------	---	--	--	-------	------	------

BSU40359	yyzO	-1				0,41	0,00
----------	------	----	--	--	--	------	------

BSU40460	yyzB	-1				0,47	0,03
----------	------	----	--	--	--	------	------

BSU40490	yycA	1		YcU		0,49	0,01
----------	------	---	--	-----	--	------	------

BSU40550	ppaC	1				0,19	0,00
----------	------	---	--	--	--	------	------

BSU40880	exoA	-1	SigG			0,49	0,00
----------	------	----	------	--	--	------	------

BSU40940	yyaD	-1	SigE			0,26	0,01
----------	------	----	------	--	--	------	------