

Assigned OTUs		HIFM	HIFM pig feces
<i>Actinobacteria</i>	<i>Rothia</i>		
	<i>Bifidobacterium</i>		
<i>Bacteroidetes</i>	<i>Rikenellaceae</i>		
<i>Firmicutes</i>	<i>Planococcaceae</i>		
	<i>Ureibacillus</i>		
	<i>Staphylococcus</i>		
	<i>Enterococcus</i>		
	<i>Lactobacillus</i>		
	<i>Streptococcus</i>		
	<i>Clostridiales</i>		
	<i>Clostridiaceae</i>		
	<i>Clostridium</i>		
	SMB53		
	<i>Lachnospiraceae</i>		
	[ <i>Ruminococcus</i> ]		
	<i>Blautia</i>		
	<i>Peptostreptococcaceae</i>		
	<i>Ruminococcaceae</i>		
	<i>Oscillospira</i>		
	<i>Ruminococcus</i>		
	<i>Megasphaera</i>		
	<i>Veillonella</i>		
<i>Proteobacteria</i>	<i>Shewanella</i>		
	<i>Enterobacteriaceae</i>		
	<i>Citrobacter</i>		
	<i>Proteus</i>		
	<i>Trabulsiella</i>		
<i>Halomonas</i>			
Unassigned			
Abundance of common OTUs (%)		100	99,94
Abundance of unique OTUs (%)		0	0,06
Abundance of unassigned OTUs (%)		0.03	0.17