

Supporting Information File 1: Target rDNA 18S sequences (approximately 320 bp) containing conserved regions flanking sites with genetic variability among different coccidia, used for the primers design. Underlined sequences correspond to the forward and reverse primers.

>*Toxoplasma gondii* strain RH (GenBank access number EF472967.1)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATTTCTGCTGGAAGCAGCCAGTCCGCCCCAGGGGTGTGC
ACTTGGTGAATTCTAGCATCCTTCTGGATTTCTCCACACTTCATTGTGTGGAGTTTTTCCAGGACTTTTA
CTTTGAGAAAATTAGAGTGTTTCAAGCAGGCTTGTGCCTTGAATACTGCAGCATGGAATAATAAGATA
GGATTCGGCCCTATTTTGTGGTTTCTAGGACTGAAGTAATGATTAATAGGGACGGTTGGGGGCATT
GTATTTAACTGTCAGAGGTGAAATTCTTAGAT

>*Neospora caninum* (GenBank access number U16159.1)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATTTCTGCTGGAAGCAGCCAGTCCGCCCTCAGGGGTGTG
CACTTGGTGAATTCTAGCATCCTTCTGGATTTCTCCACACTTCATTGTGTGGAGTTTTTCCAGGACTTTT
ACTTTGAGAAAATTAGAGTGTTTCAAGCAGGCTTGTGCCTTGAATACTGCAGCATGGAATAATAAGAT
AGGATTCGGCCCTATTTTGTGGTTTCTAGGACTGAAGTAATGATTAATAGGGACGGTTGGGGGCATT
CGTATTTAACTGTCAGAGGTGAAATTCTTAGAT

>*Hammondia hammondi* (GenBank access number AF096498.1)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATTTCTGCTGGAAGCAGCCAGTCCGCCCTCAGGGGTGTG
CACTTGGTGAATTCTAGCATCCTTCTGGATTTCTCCACACTTCATTGTGTGGAGTTTTTCCAGGACTTTT
ACTTTGAGAAAATTAGAGTGTTTCAAGCAGGCTTGTGCCTTGAATACTGCAGCATGGAATAATAAGAT
AGGATTCGGCCCTATTTTGTGGTTTCTAGGACTGAAGTAATGATTAATAGGGACGGTTGGGGGCATT
CGTATTTAACTGTCAGAGGTGAAATTCTTAGAT

>*Cryptosporidium parvum* (GenBank access number AF093494.1)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATTTCTGTTAATAATTTATATAAAATATTTTGATGAATATTT
ATATAATATTAACATAATTCATATACTATATATTTTAGTATATGAAATTTTACTTTGAGAAAATTAGAGT
GCTTAAAGCAGGCATATGCCTTGAATACTCCAGCATGGAATAATATTAAGATTTTTATCTTTCTTATTG
GTTCTAAGATAAGAATAATGATTAATAGGGACAGTTGGGGGCATTTGTATTTAAACAGTCAGAGGTGAA
ATTCTTAGAT

>*Cyclospora cayetanensis* (GenBank access number AF111183.1)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATTTCTGCTGTTGTCATCCGGCCTTGCCCGTAGGGTGTGC
GCCTGGGTTGCCCGCGGCTTTCTCCGGTAGCCTTCCGCGCTTCGCTGCGTGCGTTGGTGTCCGGAAC
TTTTACTTTGAGAAAATAGAGTGTTTCAAGCAGGCTTGTGCCTTGAATACTGCAGCATGGAATAATA
AGATAGGACCTTGTTCTATTTTGTGGTTTCTAGGACCGAGGTAATGATTAATAGGGACAGTTGGGG
GCATTCGTATTTAACTGTCAGAGGTGAAATTCTTAGAT

>*Sarcocystis hominis* (GenBank access number AF176945)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATATCTGCTGGAAGCAATCAGTCCGCCCTATTTAGGGTG
TGCACTTGATGAATTCTGGCATCTATTATCTTAATATAATGATTATTGAATTGATTTTCAATAATCAWTA
TTAGGAATAATACAGTTACTTTGAGAAAATTAGAGTGTTTGAAGCAGGCTTATTGCCTTGAATACTGCA

GCATGGAATAACAATATAGGATTTTCGGTCTATTATTTTGTGGTTTGTAGGACTGAAATAATGATTAAT
AGGGACAGTTGGGGGCATTCGTATTTAACTGTCAGAGGTGAAATTCTTAGAT

>*Cystoisospora timoni* (GenBank access number AY279205.1)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATTTCTGCTGGAAGCAGCCAGTCCGCCCTTAGGGGTGTG
ACTTGGTGAAATCCGGCATCCTCTGGTAGCGCTTCACTTAAGTGGTGGAGTGTTCAGGAC
TTTTACTTTGAGAAAATTAGAGTGTTCAGCAGGCTTGTGCCTGAATACTGCAGCATGGAATAATA
AGATAGGATTTCCGCCCTATTTGTTGGTTTCTAGGACTGAAGTAATGATTAATAGGGACGGTTGGGG
GCATTCGTATTTAACTGTCAGAGGTGAAATTCTTAGAT

>*Nephrispora eptesici* (GenBank access number EU334134.1)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATTTCTGCTGGAAGCAGCCAGTCCGCCCTAAGGGGTGTG
CACTTGGTGAATTCTAGCATCCTTCTGGTGGTACTCCACTTCGCTGTGTGGGGTGTTCAGGACT
TTTACTTTGAGAAAATTAGAGTGTTCAGCAGGCTTGTGCCTGAATACTGCAGCATGGAATAATA
GATAGGATTTCCGCCCTATTTGTTGGTTTCTAGGACTGAAGTAATGATTAATAGGGACGGTTGGGG
CATTTCGTATTTAACTGTCAGAGGTGAAATTCTTAGAT

>*Isospora belli* (GenBank access number AF106935.1)

GTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGATTTCTGCTGGAAGCAGCCAGTCCGCCCTTAGGGGTGTG
ACGTGGTGAATCCGGCATCCTTCTGGAGGAGCTTCGACTTAAGTGGTGGAGTGCTTTCCAGGAC
TTTTACTTTGAGAAAATTAGAGTGTTCAGCAGGCTTGTGCCTGAATACTGCAGCATGGAATAATA
AGATAGGATTTCCGCCCTATTTGTTGGTTTCTAGGACTGAAGTAATGATTAATAGGGACGGTTGGGG
GCATTCGTATTTAACTGTCAGAGGTGAAATTCTTAGAT