

Supplementary Table 1. miRNA hits on *IL4Ra*

Rfam ID	Start	End	Alignment
mmu-miR-141*	777	798	AGGUUGUGACGUGACCUUCUAC :: : TCTGACTGTGTCTGGAGATG
mmu-miR-763	357	378	CGGUGACCAAGAAGGGUCGACC :: GCTGCTGGACGCTCCCAGCTGG
mmu-miR-302a	49	71	aGUGGUUUUGUACCUUCGUGAAu : : cCTCCAAGCCAGGGAAGTACTTc
hsa-miR-658	508	532	ugguugCCUGGAUGAAGGGAGGCGG : : : : gaggcaGAGCCTGCTGTCCCTCCGCT
mmu-miR-188-5p	192	213	GGGAGGUGGUA-CGUUCCCUAc : CTCTCCTCCCTCCCAGGGATa
hsa-miR-502-5p	725	745	AUCGUGGUCUAUCGUCCUA : : : : : : TGGTGGTCAGGTGGTAGGGAT
mmu-miR-412	721	739	GCCGAUCACCUGGUCCACUu : : : : TGGTTGGTGG-TCAGGTGGt
mmu-miR-484	760	781	uAGCCUCCCCUGACUCGGACU : : tTTGGTGAGTGAGTGAGTCTGA
mmu-miR-128a	209	229	UUUCUCUGGCCAAGUGACACu : : GGATACAGGGGCTCACTGTGc
mmu-miR-763	259	280	cgguGACCAGAAGGGUCGACc : : agtcCTGGGCTTCTTAGCTGa
mmu-miR-876-5p	89	110	AUCACUAAAGUGUCUUAAGGU : : : TGGCAGGTTTCCCAGAAATCCA
hsa-miR-554	489	509	UGACCGACUCAGUCCUGAUCg : : ACAGCCAGGACTGGGACTAGa
hsa-miR-623	190	212	uggguugucGGGACGUUCCCUA : ggetctctcctCCCTCCCAGGGAT
mmu-miR-484	498	521	UAGCCCU--CCCCUGACUCGGACu : ACTGGGACTAGAGGCGAGGCCTGc
mmu-miR-804	377	400	aggUCCACUC--CUUGUUGAGUGU : : ggaAGCTGGGCCTAGAAACTACA
hsa-miR-941	630	653	cguguacacGUGU-GUCGGCCAC : ataaacaaaCACAGTGCCTGGGTG
mmu-miR-151-5p	181	201	UGAUCUGACACUCGAGGAGcu : ACTGGCCTGGGCTCTCCTCcc
mmu-miR-324-5p	604	625	UGUGGUUACGGGAUCCCUACGC : : : AAGCCAGGGCTC-CTGGGATGTG
mmu-miR-719	8	29	UUGUAAAAGACAUCCGGUCUA : : : : : AGTGTGC TGTGTGCTGAGGT