

Protein name	Protein Sequence	MW (Da)
RIP2K	GAMAMNGEAICSALPTIPYHKLADLRYLSRGASGTVSSARHADWRVQVAV KHLHIHTPLLDSEKDVLRREAEILHKARFSYILPILGICNEPEFLGIVTEYMPN GSLNELLHRKTEYPDVAWPLRFRILHEIALGVNYLHNMTPELLHHDLDKTQNI LLDNEFHVKIADFGLSKWRMMSLSQSRSSKSAPEGGTIIYMPPENYEPGQKS RASIKHDIYSYAVITWEVLSRKQPFEDVTNPLQIMYSVSVSQGHRPVINEESLPY DIPHRARMISLIESGWAQNPDERPSFLKCLIELEPVLRTFEEI	34765.01
RIP2K _{L294F}	GAMAMNGEAICSALPTIPYHKLADLRYLSRGASGTVSSARHADWRVQVAV KHLHIHTPLLDSEKDVLRREAEILHKARFSYILPILGICNEPEFLGIVTEYMPN GSLNELLHRKTEYPDVAWPLRFRILHEIALGVNYLHNMTPELLHHDLDKTQNI LLDNEFHVKIADFGLSKWRMMSLSQSRSSKSAPEGGTIIYMPPENYEPGQKS RASIKHDIYSYAVITWEVLSRKQPFEDVTNPLQIMYSVSVSQGHRPVINEESLPY DIPHRARMISLIESGWAQNPDERPSFLKCLIELEPV F RTFEEI	34798.7
RIP2K _{K47R}	GAMAMNGEAICSALPTIPYHKLADLRYLSRGASGTVSSARHADWRVQVAV R HHLHIHTPLLDSEKDVLRREAEILHKARFSYILPILGICNEPEFLGIVTEYMPN GSLNELLHRKTEYPDVAWPLRFRILHEIALGVNYLHNMTPELLHHDLDKTQNI LLDNEFHVKIADFGLSKWRMMSLSQSRSSKSAPEGGTIIYMPPENYEPGQKS RASIKHDIYSYAVITWEVLSRKQPFEDVTNPLQIMYSVSVSQGHRPVINEESLPY DIPHRARMISLIESGWAQNPDERPSFLKCLIELEPVLRTFEEI	34793.9
RIP2K _{D146N}	GAMAMNGEAICSALPTIPYHKLADLRYLSRGASGTVSSARHADWRVQVAV KHLHIHTPLLDSEKDVLRREAEILHKARFSYILPILGICNEPEFLGIVTEYMPN GSLNELLHRKTEYPDVAWPLRFRILHEIALGVNYLHNMTPELLHH N LKTQNI LLDNEFHVKIADFGLSKWRMMSLSQSRSSKSAPEGGTIIYMPPENYEPGQKS RASIKHDIYSYAVITWEVLSRKQPFEDVTNPLQIMYSVSVSQGHRPVINEESLPY DIPHRARMISLIESGWAQNPDERPSFLKCLIELEPVLRTFEEI	34764.9
RIP2K _{R74A}	GAMAMNGEAICSALPTIPYHKLADLRYLSRGASGTVSSARHADWRVQVAV KHLHIHTPLLDSEKDVLRREAEILHKA A FSYILPILGICNEPEFLGIVTEYMPN GSLNELLHRKTEYPDVAWPLRFRILHEIALGVNYLHNMTPELLHHDLDKTQNI LLDNEFHVKIADFGLSKWRMMSLSQSRSSKSAPEGGTIIYMPPENYEPGQKS RASIKHDIYSYAVITWEVLSRKQPFEDVTNPLQIMYSVSVSQGHRPVINEESLPY DIPHRARMISLIESGWAQNPDERPSFLKCLIELEPVLRTFEEI	34679.92
RIP2K _{R74D}	GAMAMNGEAICSALPTIPYHKLADLRYLSRGASGTVSSARHADWRVQVAV KHLHIHTPLLDSEKDVLRREAEILHKA D FSYILPILGICNEPEFLGIVTEYMPN GSLNELLHRKTEYPDVAWPLRFRILHEIALGVNYLHNMTPELLHHDLDKTQNI LLDNEFHVKIADFGLSKWRMMSLSQSRSSKSAPEGGTIIYMPPENYEPGQKS RASIKHDIYSYAVITWEVLSRKQPFEDVTNPLQIMYSVSVSQGHRPVINEESLPY DIPHRARMISLIESGWAQNPDERPSFLKCLIELEPVLRTFEEI	34723.93
RIP2K _{R74H}	GAMAMNGEAICSALPTIPYHKLADLRYLSRGASGTVSSARHADWRVQVAV KHLHIHTPLLDSEKDVLRREAEILHKA F FSYILPILGICNEPEFLGIVTEYMPN GSLNELLHRKTEYPDVAWPLRFRILHEIALGVNYLHNMTPELLHHDLDKTQNI LLDNEFHVKIADFGLSKWRMMSLSQSRSSKSAPEGGTIIYMPPENYEPGQKS RASIKHDIYSYAVITWEVLSRKQPFEDVTNPLQIMYSVSVSQGHRPVINEESLPY DIPHRARMISLIESGWAQNPDERPSFLKCLIELEPVLRTFEEI	34746.28