

Table S1

qRT-PCR	Forward(5'to3')	Reverse(5'to3')
<i>Asz1</i>	GAGTGGGCTTCTCCCAGAAA	GGTCATTTTCCCGCTCATT
<i>Dazl</i>	CAACTGTAACTACCACTGCAG	CAAGAGACCACTGTCTGTATGC
<i>Gtsf1</i>	GACTCCCTGGACCCTGAAAA	GCCAATTTGTTTGCAGATC
<i>Kdm3a</i>	GACCTGGGCCCAAGATGTA	CCATGACATTGGCTGCATCAGA
<i>Kdm3b</i>	CGGTAGTGAGCGGAGATCCT	CAGCCGTCAAACCTCCACAAA
<i>Kdm3c</i>	TTCTTGATCTGTGACCAGCA	CTTATGCACACCCGGAAACCA
<i>Kdm4a</i>	TCCATCTATGGAGCAGACG	GTCCAGGATGGTCTTCAGC
<i>Kdm4b</i>	CCATGGATGAATTCAGGGACTT	CCACTCCTTGGGTGGAATGA
<i>Kdm4c</i>	GACCATACAAAGCCCCTCCA	CAAAGTGGCTTATTGCCCTGT
<i>Kdm4d</i>	TGGATATGAAGAAGGCGCAAA	AGACTGGGGTGCAGCAGAAT
<i>Kdm5a</i>	TTGAAGATCCCTGTGGTGGGA	GCGGCTACCCACTTTAGACC
<i>Kdm5b</i>	CCACCATTGCTTGTGATGT	TTGCAATCTGGTCCAGGAAA
<i>Kdm5c</i>	ACCCACCTGGCAAAAACATT	TCATTATCAAATGGCGTGTG
<i>Kdm5d</i>	CAGCCATCAAATTCAGTTGC	GGCTGCCCATATATCTGTA
<i>Kdm6a</i>	TGAGCAACTTTTGAGACAGAA	TCCTTGGTGGCCTTATCTCC
<i>Kdm6b</i>	GCCGGTCTGCTACAGTTCT	CTCGCCTCCACCAGAGTCTT
<i>L7</i>	AGCGGATTGCCTTGACAGAT	AACTTGAAGGGCCACAGGAA
<i>Magea2</i>	GAGGTCTCATGCTGTGCCA	TGGCGCCTAGTTCAAGTCCA
<i>Magea5</i>	GGTATCAAAGAGCTGAAACCCTGG	CGGATGTCTCATGGTCTCTCT
<i>Nanog</i>	AGGCTTTGGAGACAGTGAGGTGC	TACCCTCAAACCTCCTGGTCCTTC
<i>Pdha2</i>	AAGGGCAGGTATTCGAAGCA	CTCGTTGGAGGTTCCCATTC
<i>Rpl39l</i>	TTTAAACTCGCCGGGAAGAG	TGTGGAATGGGACGATTTTG
<i>Ubb</i>	GAGAGGCTTTGTCCGGTTCG	TCTTACGAAGATCTGCATTTTGAC
<i>Wfdc15a</i>	TGTGTGGAACCCTGGACAAC	GCCAATGCCGTGCTTATTTT

ChIP&DIP-qPCR	Forward(5'to3')	Reverse(5'to3')
<i>Asz1</i>	CCTCACTATCGCTGCTCTCG	CGCTCGCTCAAGCTCTGATA
<i>Dazl</i>	TACAAAATGCCGCGAGAAATAG	CCGGACTCAACCTTCTCAATG
<i>Gapdh</i>	CTCCGCGATTTTACCTGGC	AATACGGACTGCAGCCCTCC
<i>Gtsf1</i>	TTCTGTGACTGTGGCTTGC	GGAGGGTGAAGCAAAGAAAA
<i>IAP</i>	GCTCCTGAAGATGTAAGCAATAAAG	CTTCCTTGCGCCAGTCCCGAG
<i>MageA2</i>	GGAGCTAGGCAGGCTAAAGGT	TCTCCATGCTGTGCCAGTTG
<i>MageA5</i>	TGGCTTTCTTGCTACAAGATTCT	AGTGGGAGGAGATTTTTGGGGA
<i>Major satellite</i>	GACGACTTGAAAAATGACGAAATC	CATATTCCAGGTCCTTCAAGTGTGC
<i>MERVK</i>	TTCGCCTCTGCAATCAAGCTCTC	TCGCTCRTGCCTGAAGATGTTTTC
<i>MERVL</i>	CTTCCATTCACAGCTGCGACTG	CTAGAACCACTCCTGGTACCAAC
<i>MusD</i>	CCCTTCCTTCATAACTGGTGTGCGA	TAGCATCTCTGCCATTCTCAGG
<i>Pdha2</i>	TAAGATGGCTGCCGAGCTCC	GTGGCTTCCAGCTTGTGAC
<i>Rpl39l</i>	TGCAGCTGACACTGGACACA	TCACTGTTGTTTGGGGGCT
<i>Wfdc15a</i>	GGGAGGACGTTTGAATCTGC	GCACTTCCGTTTTCTGACC