

Supplementary Table 1. Patient characteristics.

<i>Clinical and pathological information</i>	<i>Discovery cohorts</i>				<i>Validation cohorts</i>	
	<i>Internal cohort</i>	<i>Affymetrix data sets</i>			<i>Affymetrix data sets</i>	<i>Internal cohort</i>
		<i>Hatziz</i>	<i>IGR</i>	<i>MAQC-II</i>		
<i>Patients (N)</i>	203	198	29	84	137	95
<i>Median age, years (IQR)</i>	50 (46-68)	48.2 (25-75)	49 (33-67)	50 (29-75)	-	51 (46-66)
<i>Median tumor size, mm (IQR)</i>	19 (15-32)	-	60 (20-175)	-	-	20 (9.5-30)
<i>T stage</i>						
T1	51.2%	6.6%	3.5%	13.1%	-	45.3%
T2	36.4%	47.0%	31.0%	38.1%	-	41.0%
T3	8.0%	32.8%	65.5%	22.6%	-	8.4%
T4	3.9%	13.1%	0.0%	21.4%	-	5.3%
Unknown	0.5%	0.5%	0.0%	4.8%	-	0.0%
<i>TNM Stage</i>						
I-II	67.0%	52.5%	58.6%	45.2%	-	58.9%
III	33.0%	46.5%	41.4%	50.0%	-	41.1%
Unknown	0.0%	1.0%	0.0%	4.8%	-	0.0%
<i>Node status</i>						
Negative	46.3%	27.3%	34.5%	19.0%	32.8%	45.3%
Positive	53.7%	72.7%	65.5%	79.8%	32.8%	54.7%
Unknown	0.0%	0.0%	0.0%	1.2%	34.4%	0.0%
<i>Histological grade</i>						
grade 1	1.0%	0.5%	0.0%	0.0%	2.2%	2.1%
grade 2	22.7%	12.7%	13.8%	17.9%	8.0%	20.0%
grade 3	76.3%	78.2%	75.9%	72.6%	65.7%	77.9%
Unknown		8.6%	10.3%	9.5%	24.1%	
<i>Lymphovascular invasion</i>						
Absent	32.0%	-	-	-	-	44.2%
Present	18.7%	-	-	-	-	34.7%
Unknown	49.3%	-	-	-	-	21.1%
<i>Recurrence within 36 months</i>						
Yes	19.7%	-	-	-	29.9%	18.9%
No	80.3%	-	-	-	70.1%	81.1%
<i>Site of first distant recurrence</i>						
Bone	17.0%	-	-	-	-	19.0%
Visceral	53.2%	-	-	-	-	61.9%
Unknown	29.8%				-	19.1%
<i>Death of Breast cancer</i>						
Yes	19.7%	-	-	-	-	20.0%
No	78.3%	-	-	-	-	80.0%
Unknown	2.0%	-	-	-	-	0.0%

Series accession no	GSE25066	GSE22093	GSE20194	GSE3494, GSE4611, GSE5327, GSE1456, GSE19615, GSE21653, GSE31519, GSE37946, GSE45255
----------------------------	----------	----------	----------	--

Abbreviations: IQR, Interquartile range.

Supplementary Table 2. Correlations between CD68 protein expression and gene expression of the 30 most relevant EMT-associated kinases in-triple negative breast cancer (N = 203).

CD68 protein expression				
<i>EMT-associated kinases</i>	<i>Spearman correlation coefficient</i>	<i>P-value^a</i>	<i>P-value^b</i>	
<i>AKT1</i>	0.173	1.37E-02	3.43E-01	
<i>AKT2</i>	-0.086	2.24E-01	2.47E+00	
<i>AXL</i>	0.405	< 1.00E-04	7.10E-03	
<i>DDR1</i>	0.048	4.98E-01	3.85E+00	
<i>DDR2</i>	0.131	6.25E-02	1.06E+00	
<i>EGFR</i>	0.03	6.67E-01	3.85E+00	
<i>ERK1</i>	-0.125	7.55E-02	1.13E+00	
<i>ERK2</i>	0.171	1.47E-02	3.53E-01	
<i>FAK</i>	0.177	1.18E-02	3.19E-01	
<i>FGFR1</i>	0.183	9.00E-03	2.52E-01	
<i>FGFR2</i>	0.162	2.08E-02	4.38E-01	
<i>FGFR3</i>	0.13	6.36E-02	1.06E+00	
<i>FYN</i>	0.154	2.81E-02	5.32E-01	
<i>GSK3B</i>	-0.005	9.47E-01	3.85E+00	
<i>IGF1R</i>	0.006	9.34E-01	3.85E+00	
<i>IKKA</i>	0.156	2.59E-02	5.18E-01	
<i>IKKB</i>	0.163	1.99E-02	4.38E-01	
<i>LYN</i>	0.174	1.32E-02	3.43E-01	
<i>MET</i>	0.052	4.63E-01	3.85E+00	
<i>PDGFRA</i>	-0.091	1.97E-01	2.36E+00	
<i>PDGFRB</i>	-0.026	7.15E-01	3.85E+00	
<i>PTK2B</i>	-0.064	3.65E-01	3.65E+00	
<i>SRC</i>	0.056	4.28E-01	3.85E+00	
<i>SYK</i>	-0.097	1.67E-01	2.16E+00	
<i>TGFBR1</i>	-0.03	6.71E-01	3.85E+00	
<i>TGFBR2</i>	0.168	1.69E-02	3.89E-01	
<i>VEGFR1</i>	0.043	5.43E-01	3.85E+00	
<i>VEGFR2</i>	0.111	1.17E-01	1.63E+00	
<i>VEGFR3</i>	0.207	3.10E-03	8.99E-02	
<i>YES1</i>	0.154	2.80E-02	5.32E-01	

Significant *P*-values are given in bold.

^aSpearman Rank correlation *P*-values.

^b*P*-values corrected for multiple-testing error by the Bonferroni method.

Supplementary Table 3. SEEK analysis for the enrichment of genes co-expressed with *AXL* in triple negative breast cancer.

<i>Gene ontology biological process</i>	P-value^a	q value^b
Extracellular matrix organization	4.54E-18	3.88E-17
Cell migration	9.99E-14	6.36E-13
Collagen metabolic process	9.99E-14	2.51E-12
Extracellular matrix disassembly	2.53E-13	9.73E-12
Collagen catabolic process	6.27E-13	3.20E-11
Cell adhesion	2.27E-10	1.52E-09
Positive regulation of immune system process	2.97E-10	2.11E-09
Collagen fibril organization	2.97E-10	2.86E-09
Regulation of cell migration	5.17E-10	6.26E-09
Regulation of cell motility	5.37E-10	6.26E-09
Regulation of cellular component movement	1.14E-09	1.17E-08
Leukocyte migration	3.29E-09	5.39E-08
Activation of immune response	3.19E-08	3.19E-07
Wound healing	8.34E-08	5.19E-07
Positive regulation of locomotion	8.34E-08	5.19E-07
Hemostasis	8.64E-08	5.85E-07
Cell activation	8.64E-08	5.85E-07
Blood coagulation	1.92E-07	1.32E-06
Positive regulation of cell motility	1.92E-07	1.38E-06
Cell chemotaxis	2.98E-07	2.72E-06
Positive regulation of cell migration	2.98E-07	3.50E-06
Chemotaxis	6.75E-07	5.01E-06
Complement activation	6.75E-07	6.83E-06
Cardiovascular system development	8.89E-07	9.08E-06
Blood vessel development	1.47E-06	2.32E-05
Platelet activation	2.09E-06	3.23E-05
Protein activation cascade	2.09E-06	3.37E-05
Humoral immune response	2.09E-06	5.71E-05
Regulation of response to external stimulus	7.78E-06	1.12E-04
Positive regulation of cell proliferation	1.46E-05	1.34E-04
Regulation of protein processing	1.46E-05	2.06E-04
Cell morphogenesis involved in differentiation	2.79E-05	2.37E-04
Leukocyte chemotaxis	2.79E-05	3.04E-04
Positive regulation of fibroblast proliferation	2.79E-05	3.58E-04
Collagen biosynthetic process	2.79E-05	3.63E-04
Regulation of smooth muscle cell migration	2.79E-05	3.63E-04
Cell substrate adhesion	2.79E-05	5.12E-04
Cell morphogenesis	9.61E-05	6.17E-04
Immune effector process	9.61E-05	6.26E-04
Regulation of leukocyte migration	9.61E-05	6.65E-04
Inflammatory response	9.61E-05	6.77E-04
Platelet degranulation	9.61E-05	8.26E-04

Regulation of chemotaxis	9.61E-05	8.87E-04
Immunoglobulin mediated immune response	9.61E-05	1.04E-03
Immune response regulating signaling pathway	1.22E-04	1.05E-03
Skeletal system development	1.22E-04	1.05E-03
Response to ketone	1.22E-04	1.89E-03
Negative regulation of immune system process	1.22E-04	2.01E-03
Regulation of cell activation	1.39E-04	2.59E-03
Positive regulation of chemotaxis	1.39E-04	2.59E-03
Positive regulation of leukocyte activation	1.39E-04	2.70E-03
Blood vessel morphogenesis	1.59E-04	2.70E-03
Negative regulation of cell proliferation	3.29E-04	3.28E-03
Regulation of leukocyte activation	3.29E-04	3.58E-03
Regulation of leukocyte chemotaxis	3.29E-04	3.58E-03
Regulation of multicellular organismal development	5.03E-04	3.79E-03
Regulation of epithelial to mesenchymal transition	5.03E-04	4.02E-03
Positive regulation of lymphocyte activation	5.03E-04	4.14E-03
Regulation of lymphocyte activation	5.03E-04	4.22E-03
Positive regulation of developmental process	5.03E-04	4.22E-03
Cellular component disassembly	5.03E-04	4.50E-03
Transmembrane receptor protein serine threonine kinase signaling pathway	5.03E-04	4.54E-03
Mesenchyme development	5.03E-04	4.92E-03
Regulation of complement activation	5.03E-04	5.49E-03
Epithelial to mesenchymal transition	5.03E-04	5.74E-03
Positive regulation of cell differentiation	5.03E-04	5.74E-03
Regulation of anatomical structure morphogenesis	5.03E-04	5.74E-03
Stem cell development	5.03E-04	5.74E-03
Protein processing	5.03E-04	5.74E-03
Platelet derived growth factor receptor signaling pathway	5.03E-04	6.62E-03
Positive regulation of response to external stimulus	5.03E-04	6.98E-03
Leukocyte activation	5.39E-04	7.04E-03
Regulation of leukocyte proliferation	5.39E-04	7.36E-03
Angiogenesis	5.39E-04	7.77E-03
Antigen receptor mediated signaling pathway	5.39E-04	7.77E-03
Proteoglycan biosynthetic process	5.39E-04	7.77E-03
Regulation of stem cell differentiation	5.39E-04	7.77E-03
Negative regulation of signaling	1.13E-03	7.77E-03
Macrophage activation	1.13E-03	7.77E-03
Ovulation cycle	1.13E-03	7.77E-03
Wnt receptor signaling pathway	1.13E-03	7.77E-03
Immune response regulating cell surface receptor signaling pathway	1.13E-03	7.77E-03
Regulation of Wnt receptor signaling pathway	1.13E-03	7.80E-03
Stem cell differentiation	1.13E-03	8.52E-03
Immune response activating signal transduction	1.13E-03	9.10E-03
Chemokine mediated signaling pathway	1.13E-03	9.66E-03
Lymphocyte activation	1.13E-03	1.11E-02
Negative regulation of canonical Wnt receptor signaling pathway	1.13E-03	1.18E-02

Proteoglycan metabolic process	1.13E-03	1.23E-02
Axon guidance	1.13E-03	1.23E-02
Negative regulation of signal transduction	1.75E-03	1.25E-02
Regulation of cell differentiation	2.03E-03	1.51E-02
Regulation of defense response	2.03E-03	1.55E-02
Negative regulation of Wnt receptor signaling pathway	2.03E-03	1.59E-02
Regulation of lymphocyte proliferation	2.03E-03	1.76E-02
Renal system development	2.03E-03	1.76E-02
Blood circulation	2.03E-03	1.80E-02
Regulation of canonical Wnt receptor signaling pathway	2.03E-03	1.86E-02
Regulation of cell morphogenesis	2.03E-03	1.93E-02
Cellular response to vascular endothelial growth factor stimulus	2.03E-03	2.10E-02
Endothelial cell migration	2.03E-03	2.13E-02
Positive regulation of Wnt receptor signaling pathway	2.03E-03	2.22E-02
Regulation of granulocyte chemotaxis	2.03E-03	2.31E-02
Negative regulation of developmental process	2.03E-03	2.48E-02
Vascular endothelial growth factor receptor signaling pathway	2.03E-03	3.01E-02
Positive regulation of intracellular protein transport	2.03E-03	3.07E-02
Regulation of wound healing	2.03E-03	3.09E-02
Positive regulation of leukocyte chemotaxis	2.03E-03	3.10E-02
Regulation of inflammatory response	2.03E-03	3.28E-02
Transforming growth factor beta receptor signaling pathway	2.03E-03	3.30E-02
Cellular response to transforming growth factor beta stimulus	2.03E-03	3.30E-02
Organ morphogenesis	2.15E-03	3.30E-02
Adaptive immune response based on somatic recombination of immune receptors built from immunoglobulin superfamily domains	2.15E-03	3.30E-02
Positive regulation of cell development	2.15E-03	3.30E-02
Positive regulation of intracellular transport	2.15E-03	3.70E-02
Canonical Wnt receptor signaling pathway	2.15E-03	3.70E-02
Cell cell adhesion	2.38E-03	3.99E-02
Exocytosis	2.38E-03	4.03E-02
Immune response activating cell surface receptor signaling pathway	3.68E-03	4.20E-02
Negative regulation of leukocyte proliferation	3.68E-03	4.36E-02
Regulation of B cell proliferation	3.68E-03	4.36E-02
Regulation of B cell activation	4.07E-03	4.41E-02
Cell matrix adhesion	4.07E-03	4.41E-02
Anatomical structure formation involved in morphogenesis	4.07E-03	4.41E-02
Positive regulation of protein transport	4.07E-03	4.48E-02
Granulocyte chemotaxis	4.07E-03	4.54E-02
Positive regulation of lymphocyte proliferation	4.07E-03	4.54E-02
Morphogenesis of an epithelium	4.07E-03	4.54E-02
Positive regulation of nucleocytoplasmic transport	4.07E-03	4.54E-02

^aBenjamini-Hochberg-adjusted.

^bA threshold q value ≤ 0.05 for the Benjamini-Hochberg false discovery rate was used.

Supplementary Table 4. Genes enclosed in the M1 or M2 macrophage modules.

<i>Gene symbol</i>	<i>Gene name</i>
<i>M1-related module</i>	
<i>APOL3</i>	apolipoprotein L, 3
<i>CCL15</i>	chemokine (C-C motif) ligand 14; chemokine (C-C motif) ligand 15
<i>CCL19</i>	chemokine (C-C motif) ligand 19
<i>CCL20</i>	chemokine (C-C motif) ligand 20
<i>CCL4</i>	chemokine (C-C motif) ligand 4
<i>CCL5</i>	chemokine (C-C motif) ligand 5
<i>CCR7</i>	chemokine (C-C motif) receptor 7
<i>CD69</i>	CD69 molecule
<i>CD80</i>	CD80 molecule
<i>CD86</i>	CD86 molecule
<i>CFB</i>	complement factor B
<i>CXCL1</i>	chemokine (C-X-C motif) ligand 1 (melanoma growth stimulating activity, alpha)
<i>CXCL10</i>	chemokine (C-X-C motif) ligand 10
<i>CXCL11</i>	chemokine (C-X-C motif) ligand 11
<i>CXCL9</i>	chemokine (C-X-C motif) ligand 9
<i>FCGR2A</i>	Fc fragment of IgG, low affinity IIa, receptor (CD32)
<i>FCGR3B</i>	Fc fragment of IgG, low affinity IIIb, receptor (CD16b)
<i>GBP1</i>	guanylate binding protein 1, interferon-inducible, 67kDa
<i>GBP2</i>	guanylate binding protein 2, interferon-inducible
<i>GBP3</i>	guanylate binding protein 3
<i>GBP4</i>	guanylate binding protein 4
<i>GBP5</i>	guanylate binding protein 5
<i>HESX1</i>	HESX homeobox 1
<i>ICAM1</i>	intercellular adhesion molecule 1
<i>IL12B</i>	interleukin 12B
<i>IL15</i>	interleukin 15
<i>IL15RA</i>	interleukin 15 receptor, alpha
<i>IL18</i>	interleukin 18
<i>IL1B</i>	interleukin 1, beta
<i>IL23A</i>	interleukin 23, alpha subunit p19
<i>IL2RA</i>	interleukin 2 receptor, alpha
<i>IL32</i>	interleukin 32
<i>IL6</i>	interleukin 6
<i>IRF1</i>	interferon regulatory factor 1
<i>IRF7</i>	interferon regulatory factor 7
<i>PDE4B</i>	phosphodiesterase 4B, cAMP-specific
<i>PTX3</i>	pentraxin 3, long
<i>SOCS3</i>	suppressor of cytokine signaling 3
<i>TLR2</i>	toll-like receptor 2
<i>TLR4</i>	toll-like receptor 4
<i>TNF</i>	tumor necrosis factor
<i>TNFSF10</i>	tumor necrosis factor (ligand) superfamily, member 10
<i>M2-related module</i>	

<i>ADK</i>	adenosine kinase
<i>ADORA3</i>	adenosine A3 receptor
<i>ALOX15</i>	arachidonate 15-lipoxygenase
<i>ARG1</i>	arginase 1
<i>CCL13</i>	chemokine (C-C motif) ligand 13
<i>CCL17</i>	chemokine (C-C motif) ligand 17
<i>CCL18</i>	chemokine (C-C motif) ligand 18
<i>CCL2</i>	chemokine (C-C motif) ligand 2
<i>CCL23</i>	chemokine (C-C motif) ligand 23
<i>CCL24</i>	chemokine (C-C motif) ligand 24
<i>CD163</i>	CD163 molecule
<i>CD36</i>	CD36 molecule
<i>CD9</i>	CD9 molecule
<i>CERK</i>	ceramide kinase
<i>CHN2</i>	chimerin 2
<i>COL6A2</i>	collagen, type VI, alpha 2
<i>CXCR4</i>	chemokine (C-X-C motif) receptor 4
<i>EGR2</i>	early growth response 2
<i>FGL2</i>	fibrinogen-like 2
<i>FNI</i>	fibronectin 1
<i>GAS6</i>	growth arrest-specific 6
<i>GAS7</i>	growth arrest-specific 7
<i>HEXB</i>	hexosaminidase B
<i>HNMT</i>	histamine N-methyltransferase
<i>HRH1</i>	histamine receptor H1
<i>HS3ST1</i>	heparan sulfate (glucosamine) 3-O-sulfotransferase 1
<i>IGF1</i>	insulin-like growth factor 1 (somatomedin C)
<i>IL10</i>	interleukin 10
<i>IL13</i>	interleukin 13
<i>IL1RN</i>	interleukin 1 receptor antagonist
<i>IL4</i>	interleukin 4
<i>IL4R</i>	interleukin 4 receptor
<i>LIPA</i>	lipase A, lysosomal acid, cholesterol esterase
<i>LTA4H</i>	leukotriene A4 hydrolase
<i>MAF</i>	v-maf avian musculoaponeurotic fibrosarcoma oncogene homolog
<i>MERTK</i>	MER proto-oncogene, tyrosine kinase
<i>MRC1</i>	mannose receptor, C type 1
<i>MRC2</i>	mannose receptor, C type 2
<i>MSR1</i>	macrophage scavenger receptor 1
<i>SEPP1</i>	selenoprotein P, plasma, 1
<i>TGFB1</i>	transforming growth factor, beta 1
<i>TGFBR2</i>	transforming growth factor, beta receptor II
<i>TLR5</i>	toll-like receptor 5
<i>TPST2</i>	tyrosylprotein sulfotransferase 2

Supplementary Table 5. Genes co-expressed with the M1- or M2-related macrophage modules in triple-negative breast cancer.

<i>Gene symbol</i>	<i>Co-expression score</i>	<i>P-value</i>	<i>Gene symbol</i>	<i>Co-expression score</i>	<i>P-value</i>
<i>M1-related module</i>			<i>M2-related module</i>		
<i>EPSTI1</i>	2.349	< 1.00E-04	<i>C3AR1</i>	1.340	< 1.00E-04
<i>UBD</i>	2.139	< 1.00E-04	<i>MS4A4A</i>	1.308	< 1.00E-04
<i>CSF2RB</i>	2.110	< 1.00E-04	<i>KCTD12</i>	1.268	< 1.00E-04
<i>TRBV20-1</i>	1.741	< 1.00E-04	<i>MAFB</i>	1.253	< 1.00E-04
<i>TICAM2</i>	1.315	< 1.00E-04	<i>SERPINF1</i>	1.243	< 1.00E-04
<i>C12orf59</i>	1.265	< 1.00E-04	<i>TRBV20-1</i>	0.915	< 1.00E-04
<i>LOC100130633</i>	1.129	< 1.00E-04	<i>TICAM2</i>	0.735	< 1.00E-04
<i>GBP1P1</i>	1.108	< 1.00E-04	<i>LOC100130633</i>	0.610	< 1.00E-04
<i>LOC729839</i>	0.725	< 1.00E-04	<i>A2M-AS1</i>	0.503	< 1.00E-04
<i>A2M-AS1</i>	0.598	< 1.00E-04	<i>LOC729839</i>	0.340	< 1.00E-04
<i>LOC645139</i>	0.525	< 1.00E-04	<i>GBP1P1</i>	0.267	< 1.00E-04
<i>LINC00460</i>	0.487	< 1.00E-04	<i>LPP-AS2</i>	0.247	< 1.00E-04
<i>TRBV7-8</i>	0.474	< 1.00E-04	<i>LOC643072</i>	0.233	< 1.00E-04
<i>LINC00294</i>	0.294	< 1.00E-04	<i>LOC100131825</i>	0.230	< 1.00E-04
<i>ZNF731P</i>	0.285	< 1.00E-04	<i>STEAP1B</i>	0.215	< 1.00E-04
<i>RPL18AP3</i>	0.263	< 1.00E-04	<i>LOC100130458</i>	0.203	< 1.00E-04
<i>LOC100130458</i>	0.252	< 1.00E-04	<i>MUC5AC</i>	0.200	< 1.00E-04
<i>LOC100288675</i>	0.241	< 1.00E-04	<i>LINC00294</i>	0.197	< 1.00E-04
<i>LOC100129637</i>	0.238	< 1.00E-04	<i>LOC644456</i>	0.175	< 1.00E-04
<i>LINC00284</i>	0.191	< 1.00E-04	<i>LOC440311</i>	0.120	< 1.00E-04
<i>LINC00582</i>	0.184	< 1.00E-04	<i>LOC100132707</i>	0.120	< 1.00E-04
<i>FLJ36848</i>	0.180	< 1.00E-04	<i>DGCR10</i>	0.107	< 1.00E-04
<i>TRBV7-3</i>	0.171	< 1.00E-04	<i>LOC100131754</i>	0.090	< 1.00E-04
<i>TMPO-AS1</i>	0.167	< 1.00E-04	<i>LOC645139</i>	0.065	< 1.00E-04
<i>LOC100288525</i>	0.115	< 1.00E-04	<i>LOC100288418</i>	0.050	< 1.00E-04
<i>LOC644589</i>	0.100	< 1.00E-04	<i>TRBV7-8</i>	0.040	< 1.00E-04
<i>MUC5AC</i>	0.094	< 1.00E-04	<i>LOC100130111</i>	0.033	< 1.00E-04
<i>LOC645739</i>	0.081	< 1.00E-04	<i>LINC00284</i>	0.033	< 1.00E-04
<i>LOC145474</i>	0.057	< 1.00E-04	<i>ITPK1-AS1</i>	0.033	< 1.00E-04
<i>FLJ37786</i>	0.045	< 1.00E-04	<i>LOC145474</i>	0.013	< 1.00E-04
<i>LPP-AS2</i>	0.041	< 1.00E-04	<i>FLJ16779</i>	0.010	< 1.00E-04
<i>LOC100132707</i>	0.032	< 1.00E-04	<i>CDRT15L2</i>	-0.010	< 1.00E-04
<i>ERLEC1P1</i>	0.026	< 1.00E-04	<i>HCG11</i>	-0.013	< 1.00E-04
<i>LOC100131754</i>	0.026	< 1.00E-04	<i>TRIM78P</i>	-0.020	< 1.00E-04
<i>LOC644456</i>	0.021	< 1.00E-04	<i>LOC401463</i>	-0.020	< 1.00E-04
<i>BLOC1S5</i>	0.015	< 1.00E-04	<i>LOC100131261</i>	-0.020	< 1.00E-04
<i>LOC643072</i>	0.012	< 1.00E-04	<i>LOC100288675</i>	-0.025	< 1.00E-04
<i>LOC151121</i>	0.004	< 1.00E-04	<i>ANKRD34C</i>	-0.035	< 1.00E-04
<i>DGCR10</i>	-0.006	< 1.00E-04	<i>LOC100288578</i>	-0.040	< 1.00E-04
<i>PAN3-AS1</i>	-0.013	< 1.00E-04	<i>LINC00293</i>	-0.047	< 1.00E-04
<i>SH3D20</i>	-0.037	< 1.00E-04	<i>LOC100289058</i>	-0.050	< 1.00E-04
<i>C6orf147</i>	-0.039	< 1.00E-04	<i>RPL18AP3</i>	-0.060	< 1.00E-04
<i>LOC339535</i>	-0.055	< 1.00E-04	<i>HMGB3P30</i>	-0.060	< 1.00E-04
<i>LOC100287598</i>	-0.057	< 1.00E-04	<i>LOC340017</i>	-0.067	< 1.00E-04

<i>C10orf112</i>	-0.064	< 1.00E-04	<i>PAN3-AS1</i>	-0.073	< 1.00E-04
<i>ITPK1-AS1</i>	-0.065	< 1.00E-04	<i>LOC285205</i>	-0.073	< 1.00E-04
<i>ANKRD34C</i>	-0.069	< 1.00E-04	<i>LOC201651</i>	-0.077	< 1.00E-04
<i>CDRT15L2</i>	-0.077	< 1.00E-04	<i>LOC284632</i>	-0.093	< 1.00E-04
<i>KCNU1</i>	-0.093	< 1.00E-04	<i>LOC144438</i>	-0.095	< 1.00E-04
<i>ZNF891</i>	-0.100	< 1.00E-04	<i>LOC286367</i>	-0.100	< 1.00E-04
<i>LOC440311</i>	-0.100	< 1.00E-04	<i>LOC148824</i>	-0.103	< 1.00E-04
<i>LOC100216545</i>	-0.106	< 1.00E-04	<i>MUC19</i>	-0.105	< 1.00E-04
<i>LOC255167</i>	-0.106	< 1.00E-04	<i>C10orf112</i>	-0.107	< 1.00E-04
<i>LINC00323</i>	-0.118	< 1.00E-04	<i>XGPY2</i>	-0.110	< 1.00E-04
<i>OSTM1-AS1</i>	-0.136	< 1.00E-04	<i>LOC284551</i>	-0.113	< 1.00E-04
<i>LOC116437</i>	-0.138	< 1.00E-04	<i>KRTAP10-12</i>	-0.120	< 1.00E-04
<i>C13orf41</i>	-0.143	< 1.00E-04	<i>LOC100287825</i>	-0.125	< 1.00E-04
<i>ZRANB2-AS1</i>	-0.145	< 1.00E-04	<i>C13orf41</i>	-0.125	< 1.00E-04
<i>LOC100289058</i>	-0.146	< 1.00E-04	<i>LOC100216545</i>	-0.130	< 1.00E-04
<i>LOC201651</i>	-0.146	< 1.00E-04	<i>LOC100288152</i>	-0.133	< 1.00E-04
<i>LINC00493</i>	-0.147	< 1.00E-04	<i>FAM181A-AS1</i>	-0.133	< 1.00E-04
<i>ST7-OT4</i>	-0.152	< 1.00E-04	<i>LOC100127886</i>	-0.135	< 1.00E-04
<i>LOC148824</i>	-0.154	< 1.00E-04	<i>DCLRE1A</i>	-0.593	< 1.00E-04
<i>LOC100131261</i>	-0.159	< 1.00E-04	<i>ACVR2B</i>	-0.598	< 1.00E-04
<i>LOC100288418</i>	-0.164	< 1.00E-04	<i>VAPB</i>	-0.600	< 1.00E-04
<i>LOC150577</i>	-0.165	< 1.00E-04	<i>TGS1</i>	-0.600	< 1.00E-04
<i>KIAA0141</i>	-0.813	< 1.00E-04	<i>SETD1A</i>	-0.600	< 1.00E-04
<i>SCAMP1</i>	-0.819	< 1.00E-04	<i>ESPL1</i>	-0.600	< 1.00E-04
<i>CAMK2N2</i>	-0.831	< 1.00E-04	<i>UBAP2L</i>	-0.608	< 1.00E-04
<i>HAND1</i>	-0.844	< 1.00E-04	<i>CCNB2</i>	-0.610	< 1.00E-04
<i>SNX21</i>	-0.846	< 1.00E-04	<i>TBRG4</i>	-0.615	< 1.00E-04
<i>PEX11G</i>	-0.849	< 1.00E-04	<i>PSRC1</i>	-0.618	< 1.00E-04
<i>MAGI2</i>	-0.851	< 1.00E-04	<i>KIF20B</i>	-0.618	< 1.00E-04
<i>ZNF251</i>	-0.852	< 1.00E-04	<i>TIMELESS</i>	-0.620	< 1.00E-04
<i>ACVR2B</i>	-0.859	< 1.00E-04	<i>CABLES1</i>	-0.620	< 1.00E-04
<i>SYNGR1</i>	-0.859	< 1.00E-04	<i>CCDC34</i>	-0.623	< 1.00E-04
<i>GTF2IRD1</i>	-0.861	< 1.00E-04	<i>GINS4</i>	-0.625	< 1.00E-04
<i>IGSF8</i>	-0.868	< 1.00E-04	<i>CDC25A</i>	-0.625	< 1.00E-04
<i>C3orf15</i>	-0.878	< 1.00E-04	<i>KIF14</i>	-0.630	< 1.00E-04
<i>CCDC114</i>	-0.891	< 1.00E-04	<i>C12orf52</i>	-0.630	< 1.00E-04
<i>FAM222A</i>	-0.893	< 1.00E-04	<i>EIF2B4</i>	-0.633	< 1.00E-04
<i>MTL5</i>	-0.893	< 1.00E-04	<i>TICRR</i>	-0.633	< 1.00E-04
<i>MAFG-AS1</i>	-0.895	< 1.00E-04	<i>FAXC</i>	-0.633	< 1.00E-04
<i>LOC81691</i>	-0.900	< 1.00E-04	<i>C16orf13</i>	-0.633	< 1.00E-04
<i>CCDC149</i>	-0.902	< 1.00E-04	<i>POLR1C</i>	-0.640	< 1.00E-04
<i>FLJ22184</i>	-0.902	< 1.00E-04	<i>KIF18A</i>	-0.643	< 1.00E-04
<i>TRPT1</i>	-0.906	< 1.00E-04	<i>CCNF</i>	-0.643	< 1.00E-04
<i>PIGQ</i>	-0.908	< 1.00E-04	<i>MAFG-AS1</i>	-0.647	< 1.00E-04
<i>SLC25A2</i>	-0.912	< 1.00E-04	<i>C1orf135</i>	-0.648	< 1.00E-04
<i>PLA2G6</i>	-0.917	< 1.00E-04	<i>C16orf59</i>	-0.648	< 1.00E-04
<i>SHF</i>	-0.924	< 1.00E-04	<i>CDC45</i>	-0.650	< 1.00E-04
<i>PPP1R16A</i>	-0.927	< 1.00E-04	<i>KIFC2</i>	-0.653	< 1.00E-04
<i>ROGDI</i>	-0.927	< 1.00E-04	<i>C11orf83</i>	-0.657	< 1.00E-04
<i>MRPL43</i>	-0.930	< 1.00E-04	<i>PPFIA4</i>	-0.658	< 1.00E-04
<i>FAM195A</i>	-0.933	< 1.00E-04	<i>FAM20B</i>	-0.658	< 1.00E-04

<i>NPEPL1</i>	-0.938	< 1.00E-04	<i>FBXO44</i>	-0.660	< 1.00E-04
<i>CACNB3</i>	-0.941	< 1.00E-04	<i>ZNF74</i>	-0.663	< 1.00E-04
<i>ITGA10</i>	-0.949	< 1.00E-04	<i>TTC26</i>	-0.663	< 1.00E-04
<i>TRIM45</i>	-0.951	< 1.00E-04	<i>ZNF251</i>	-0.663	< 1.00E-04
<i>TRMT10A</i>	-0.954	< 1.00E-04	<i>ZNF696</i>	-0.668	< 1.00E-04
<i>KIFC2</i>	-0.956	< 1.00E-04	<i>ZC2HC1C</i>	-0.668	< 1.00E-04
<i>ZC2HC1C</i>	-0.970	< 1.00E-04	<i>RPP21</i>	-0.670	< 1.00E-04
<i>ACY1</i>	-0.979	< 1.00E-04	<i>LRRC27</i>	-0.670	< 1.00E-04
<i>WDR96</i>	-0.981	< 1.00E-04	<i>WDR34</i>	-0.673	< 1.00E-04
<i>TMEM67</i>	-0.986	< 1.00E-04	<i>WHSC1</i>	-0.688	< 1.00E-04
<i>NUDT12</i>	-1.000	< 1.00E-04	<i>GTPBP3</i>	-0.693	< 1.00E-04
<i>FP588</i>	-1.012	< 1.00E-04	<i>ZNF3</i>	-0.705	< 1.00E-04
<i>IFT88</i>	-1.012	< 1.00E-04	<i>CDC25C</i>	-0.705	< 1.00E-04
<i>USP30</i>	-1.025	< 1.00E-04	<i>ARHGAP39</i>	-0.707	< 1.00E-04
<i>TMEM120A</i>	-1.025	< 1.00E-04	<i>URB2</i>	-0.713	< 1.00E-04
<i>CACNA1D</i>	-1.050	< 1.00E-04	<i>RAD54L</i>	-0.718	< 1.00E-04
<i>LINC00467</i>	-1.064	< 1.00E-04	<i>WHSC2</i>	-0.728	< 1.00E-04
<i>DYNLRB2</i>	-1.075	< 1.00E-04	<i>ATAT1</i>	-0.730	< 1.00E-04
<i>NUDT16L1</i>	-1.086	< 1.00E-04	<i>RNFT2</i>	-0.738	< 1.00E-04
<i>MAG11</i>	-1.088	< 1.00E-04	<i>GTF2IRD1</i>	-0.745	< 1.00E-04
<i>LRRC27</i>	-1.145	< 1.00E-04	<i>LOC81691</i>	-0.755	< 1.00E-04
<i>KLC4</i>	-1.147	< 1.00E-04	<i>SPIRE2</i>	-0.757	< 1.00E-04
<i>CTSF</i>	-1.178	< 1.00E-04	<i>RECQL4</i>	-0.773	< 1.00E-04
<i>GARNL3</i>	-1.189	< 1.00E-04	<i>TMEM106C</i>	-0.803	< 1.00E-04
<i>MTERFD3</i>	-1.190	< 1.00E-04	<i>C1orf162</i>	1.223	1.00E-04
<i>CABLES1</i>	-1.230	< 1.00E-04	<i>F13A1</i>	1.213	1.00E-04
<i>LCP2</i>	2.237	1.00E-04	<i>FCGR2B</i>	1.163	1.00E-04
<i>FAM26F</i>	2.219	1.00E-04	<i>DNAJA3</i>	-0.598	1.00E-04
<i>TAGAP</i>	2.111	1.00E-04	<i>PECAM1</i>	1.273	3.00E-04
<i>CCL8</i>	1.998	1.00E-04	<i>RNASE6</i>	1.240	3.00E-04
<i>ADAMDEC1</i>	1.961	1.00E-04	<i>DPP4</i>	0.958	3.00E-04
<i>FBXO44</i>	-0.823	1.00E-04	<i>TTH1</i>	-0.588	3.00E-04
<i>RSPH1</i>	-0.845	1.00E-04	<i>C3orf15</i>	-0.597	3.00E-04
<i>TNFSF13B</i>	2.125	2.00E-04	<i>C9orf100</i>	-0.607	3.00E-04
<i>VCAM1</i>	1.985	2.00E-04	<i>APOO</i>	-0.643	3.00E-04
<i>SPEF2</i>	-0.890	2.00E-04	<i>CSF1R</i>	1.273	4.00E-04
<i>MMEL1</i>	-0.904	2.00E-04	<i>GGTA1P</i>	1.127	4.00E-04
<i>NLRC5</i>	2.081	3.00E-04	<i>PTGER4</i>	1.063	4.00E-04
<i>TFEC</i>	2.022	3.00E-04	<i>ALDH1A1</i>	1.023	4.00E-04
<i>CTSC</i>	1.998	3.00E-04	<i>ZNF731P</i>	0.090	4.00E-04
<i>LAMP3</i>	1.995	3.00E-04	<i>LOC728095</i>	0.027	4.00E-04
<i>MIR155HG</i>	1.962	3.00E-04	<i>LOC645739</i>	-0.020	4.00E-04
<i>ZBED2</i>	1.658	3.00E-04	<i>CHLI-AS2</i>	-0.033	4.00E-04
<i>TMEM129</i>	-0.821	3.00E-04	<i>LOC91450</i>	-0.057	4.00E-04
<i>LRRC8E</i>	-0.898	3.00E-04	<i>LOC90784</i>	-0.067	4.00E-04
<i>SAMD9L</i>	2.320	4.00E-04	<i>FLJ37786</i>	-0.070	4.00E-04
<i>PIK3AP1</i>	1.942	4.00E-04	<i>BLOC1S5</i>	-0.070	4.00E-04
<i>C16orf54</i>	1.838	4.00E-04	<i>STL</i>	-0.077	4.00E-04
<i>CXCL13</i>	1.699	4.00E-04	<i>LOC730236</i>	-0.083	4.00E-04
<i>FDCSP</i>	1.271	4.00E-04	<i>LOC729570</i>	-0.090	4.00E-04
<i>LOC91450</i>	0.313	4.00E-04	<i>HIATL2</i>	-0.105	4.00E-04

<i>OIP5-AS1</i>	0.122	4.00E-04	<i>LINC00460</i>	-0.107	4.00E-04
<i>EPR1</i>	0.046	4.00E-04	<i>TGIF2LY</i>	-0.115	4.00E-04
<i>LOC728095</i>	0.019	4.00E-04	<i>GMNC</i>	-0.130	4.00E-04
<i>LOC729683</i>	0.005	4.00E-04	<i>SLC1A3</i>	0.958	5.00E-04
<i>LOC90784</i>	-0.028	4.00E-04	<i>NBPF3</i>	-0.610	5.00E-04
<i>C6orf114</i>	-0.061	4.00E-04	<i>MPEG1</i>	1.217	6.00E-04
<i>LOC728142</i>	-0.070	4.00E-04	<i>GIMAP6</i>	1.203	6.00E-04
<i>HIATL2</i>	-0.081	4.00E-04	<i>CFHR2</i>	0.888	6.00E-04
<i>SNHG4</i>	-0.092	4.00E-04	<i>UNG</i>	-0.653	6.00E-04
<i>HCG2P7</i>	-0.133	4.00E-04	<i>CXCL12</i>	1.198	7.00E-04
<i>TGIF2LY</i>	-0.134	4.00E-04	<i>SFRP2</i>	1.030	7.00E-04
<i>LOC554207</i>	-0.145	4.00E-04	<i>MS4A6A</i>	1.305	8.00E-04
<i>ZFP2</i>	-0.883	4.00E-04	<i>CPVL</i>	1.085	8.00E-04
<i>CARD16</i>	2.109	5.00E-04	<i>EPB41L3</i>	1.053	8.00E-04
<i>FAM172A</i>	-0.856	6.00E-04	<i>PTPRO</i>	0.990	8.00E-04
<i>MPEG1</i>	2.075	7.00E-04	<i>DSCC1</i>	-0.638	8.00E-04
<i>MNDA</i>	2.066	7.00E-04	<i>LGMN</i>	1.053	9.00E-04
<i>GZMB</i>	1.954	7.00E-04	<i>C1QC</i>	1.150	1.00E-03
<i>ICOS</i>	1.908	7.00E-04	<i>C12orf59</i>	0.563	1.00E-03
<i>APOBEC3A</i>	1.591	8.00E-04	<i>ZNF239</i>	-0.620	1.00E-03
<i>PPFIA3</i>	-0.839	8.00E-04	<i>MITF</i>	0.975	1.10E-03
<i>PARD6G</i>	-0.846	8.00E-04	<i>CAMK2N2</i>	-0.583	1.10E-03
<i>NLRC3</i>	1.923	9.00E-04	<i>SERPING1</i>	1.180	1.20E-03
<i>STAMBPL1</i>	1.884	9.00E-04	<i>GNG2</i>	1.093	1.20E-03
<i>EGFL6</i>	1.558	9.00E-04	<i>LHFPL2</i>	1.068	1.20E-03
<i>CLEC4C</i>	0.889	9.00E-04	<i>CCNB1</i>	-0.595	1.20E-03
<i>BIRC3</i>	2.055	1.00E-03	<i>FAM69A</i>	0.998	1.30E-03
<i>AIM2</i>	1.932	1.00E-03	<i>USP13</i>	-0.590	1.30E-03
<i>SEL1L3</i>	1.669	1.00E-03	<i>CLEC2B</i>	1.105	1.40E-03
<i>IGLL3P</i>	1.373	1.00E-03	<i>VSIG4</i>	1.170	1.50E-03
<i>CYTIP</i>	1.973	1.10E-03	<i>CNRIP1</i>	1.143	1.50E-03
<i>CMPK2</i>	1.953	1.10E-03	<i>FAM43A</i>	0.773	1.50E-03
<i>IDO1</i>	1.907	1.10E-03	<i>WIPF1</i>	1.213	1.60E-03
<i>PLAC8</i>	1.701	1.10E-03	<i>TLR4</i>	1.183	1.60E-03
<i>RAB36</i>	-0.807	1.10E-03	<i>GPR155</i>	0.990	1.60E-03
<i>REEP6</i>	-0.815	1.10E-03	<i>BASP1</i>	0.915	1.60E-03
<i>SAMHD1</i>	1.887	1.20E-03	<i>MME</i>	0.785	1.60E-03
<i>HCP5</i>	1.892	1.30E-03	<i>MTL5</i>	-0.578	1.60E-03
<i>STPG1</i>	-0.819	1.30E-03	<i>LRRC14</i>	-0.578	1.60E-03
<i>SAMSN1</i>	2.014	1.40E-03	<i>DOCK11</i>	1.193	1.70E-03
<i>APOBEC3G</i>	1.982	1.40E-03	<i>MNDA</i>	1.173	1.70E-03
<i>CCR5</i>	1.980	1.40E-03	<i>ENTPD1</i>	1.110	1.70E-03
<i>PTGER4</i>	1.665	1.40E-03	<i>ABCA1</i>	1.098	1.70E-03
<i>MCOLN2</i>	1.546	1.40E-03	<i>RCCD1</i>	-0.583	1.70E-03
<i>ERAP2</i>	1.265	1.40E-03	<i>SRSF12</i>	-0.593	1.70E-03
<i>RRN3P2</i>	0.970	1.40E-03	<i>MZT2B</i>	-0.620	1.70E-03
<i>GNLY</i>	1.755	1.50E-03	<i>CD53</i>	1.220	1.80E-03
<i>CRTAM</i>	1.672	1.50E-03	<i>CH25H</i>	0.930	1.80E-03
<i>PLA2G7</i>	1.570	1.50E-03	<i>JPH1</i>	-0.583	1.80E-03
<i>HTRA4</i>	1.120	1.50E-03	<i>DGCR14</i>	-0.605	1.80E-03
<i>TMEM163</i>	0.682	1.50E-03	<i>MCM7</i>	-0.638	1.90E-03

<i>GIMAP5</i>	2.058	1.60E-03	<i>DAB2</i>	1.218	2.00E-03
<i>PTPRO</i>	1.515	1.60E-03	<i>IL10RA</i>	1.213	2.00E-03
<i>TNFRSF17</i>	1.345	1.60E-03	<i>ADRB2</i>	0.805	2.00E-03
<i>C10orf57</i>	-0.836	1.60E-03	<i>NRN1</i>	0.670	2.00E-03
<i>SLC1A3</i>	1.250	1.70E-03	<i>SYCP3</i>	-0.533	2.00E-03
<i>CD53</i>	2.087	1.80E-03	<i>FLAD1</i>	-0.595	2.00E-03
<i>CD38</i>	1.715	1.80E-03	<i>RAP1GAP</i>	-0.670	2.00E-03
<i>KIAA0226L</i>	1.416	1.80E-03	<i>DNA2</i>	-0.685	2.00E-03
<i>AGR3</i>	-0.841	1.80E-03	<i>MRPS26</i>	-0.743	2.00E-03
<i>TAPT1</i>	-0.870	1.80E-03	<i>DOCK8</i>	1.153	2.10E-03
<i>CYBB</i>	2.021	1.90E-03	<i>GPNMB</i>	1.020	2.10E-03
<i>MMP16</i>	-0.807	1.90E-03	<i>ENPP2</i>	0.990	2.10E-03
<i>ERGIC1</i>	-0.814	1.90E-03	<i>TMEM200A</i>	0.867	2.10E-03
<i>ZNF213</i>	-0.859	1.90E-03	<i>COL6A6</i>	0.700	2.10E-03
<i>DOCK8</i>	1.983	2.00E-03	<i>PIAS2</i>	-0.573	2.10E-03
<i>GZMA</i>	1.924	2.00E-03	<i>CASKIN1</i>	-0.587	2.10E-03
<i>LINC00277</i>	-0.883	2.00E-03	<i>QTRT1</i>	-0.588	2.10E-03
<i>CELF5</i>	-0.919	2.00E-03	<i>RRP15</i>	-0.590	2.10E-03
<i>RAP1GAP</i>	-0.957	2.00E-03	<i>RAVER1</i>	-0.600	2.10E-03
<i>NEDD4L</i>	-1.069	2.00E-03	<i>WDR52</i>	-0.605	2.10E-03
<i>TIGIT</i>	1.666	2.10E-03	<i>CENPM</i>	-0.618	2.10E-03
<i>C7orf29</i>	0.683	2.10E-03	<i>PAXIP1</i>	-0.623	2.10E-03
<i>GSTM3</i>	-0.763	2.10E-03	<i>SBNO1</i>	-0.660	2.10E-03
<i>C1orf21</i>	-0.810	2.10E-03	<i>OVOL2</i>	-0.713	2.10E-03
<i>RNF180</i>	-0.816	2.10E-03	<i>CTSK</i>	1.170	2.20E-03
<i>OVOL2</i>	-0.836	2.10E-03	<i>GIMAP7</i>	1.103	2.20E-03
<i>ATP6V0E2</i>	-0.885	2.10E-03	<i>LPHN1</i>	-0.593	2.20E-03
<i>EFCAB4A</i>	-0.891	2.10E-03	<i>PPP1R16A</i>	-0.593	2.20E-03
<i>CASKIN1</i>	-0.915	2.10E-03	<i>PANK1</i>	-0.617	2.20E-03
<i>SERINC5</i>	-0.997	2.10E-03	<i>RAD18</i>	-0.627	2.20E-03
<i>RASSF4</i>	1.855	2.20E-03	<i>FBXO46</i>	-0.628	2.20E-03
<i>IGJ</i>	1.485	2.20E-03	<i>PMS2P1</i>	-0.643	2.20E-03
<i>FUT4</i>	1.273	2.20E-03	<i>NRTN</i>	-0.643	2.20E-03
<i>CCND2</i>	1.069	2.20E-03	<i>ESRP1</i>	-0.643	2.20E-03
<i>IDO2</i>	0.925	2.20E-03	<i>PACSIN3</i>	-0.655	2.20E-03
<i>FAM196A</i>	-0.698	2.20E-03	<i>FILIP1L</i>	1.118	2.30E-03
<i>GNG3</i>	-0.773	2.20E-03	<i>C1QB</i>	1.095	2.30E-03
<i>WDR52</i>	-0.797	2.20E-03	<i>PLA2G7</i>	0.850	2.30E-03
<i>LPPR2</i>	-0.818	2.20E-03	<i>ADIPOQ</i>	0.655	2.30E-03
<i>GABRD</i>	-0.832	2.20E-03	<i>FAM196A</i>	-0.493	2.30E-03
<i>ZSWIM5</i>	-0.908	2.20E-03	<i>RTTN</i>	-0.587	2.30E-03
<i>MORN4</i>	-0.962	2.20E-03	<i>UNC45A</i>	-0.595	2.30E-03
<i>FLJ37453</i>	-1.010	2.20E-03	<i>KIF11</i>	-0.608	2.30E-03
<i>RAP2B</i>	1.273	2.30E-03	<i>ZNF713</i>	-0.613	2.30E-03
<i>ERICH1</i>	1.006	2.30E-03	<i>SEPT3</i>	-0.663	2.30E-03
<i>C14orf39</i>	-0.671	2.30E-03	<i>CIQA</i>	1.108	2.40E-03
<i>CCDC110</i>	-0.784	2.30E-03	<i>PDPN</i>	0.995	2.40E-03
<i>MLH3</i>	-0.794	2.30E-03	<i>PLTP</i>	0.983	2.40E-03
<i>C17orf104</i>	-0.794	2.30E-03	<i>TBX20</i>	-0.540	2.40E-03
<i>PACSIN3</i>	-0.799	2.30E-03	<i>ECII</i>	-0.585	2.40E-03
<i>ZNF425</i>	-0.814	2.30E-03	<i>C20orf20</i>	-0.590	2.40E-03

<i>RABL5</i>	-0.816	2.30E-03	<i>ASPM</i>	-0.598	2.40E-03
<i>NPDC1</i>	-0.832	2.30E-03	<i>FANCB</i>	-0.600	2.40E-03
<i>TSTD1</i>	-0.873	2.30E-03	<i>WDR66</i>	-0.627	2.40E-03
<i>ATP8B1</i>	-0.919	2.30E-03	<i>PLCH1</i>	-0.643	2.40E-03
<i>EPN2</i>	-1.004	2.30E-03	<i>ADAP2</i>	1.123	2.50E-03
<i>GUSBP1</i>	-1.010	2.30E-03	<i>NRP1</i>	1.068	2.50E-03
<i>C7orf41</i>	-1.024	2.30E-03	<i>SIPR1</i>	1.028	2.50E-03
<i>STAT1</i>	2.045	2.40E-03	<i>HYAL3</i>	-0.583	2.50E-03
<i>HLA-DRB6</i>	1.612	2.40E-03	<i>MYO19</i>	-0.588	2.50E-03
<i>GUSBP11</i>	1.408	2.40E-03	<i>ZNF7</i>	-0.593	2.50E-03
<i>APOL4</i>	1.211	2.40E-03	<i>CDCA3</i>	-0.595	2.50E-03
<i>TBX20</i>	-0.629	2.40E-03	<i>NFYA</i>	-0.600	2.50E-03
<i>KLHL10</i>	-0.691	2.40E-03	<i>PPAT</i>	-0.618	2.50E-03
<i>WDR66</i>	-0.769	2.40E-03	<i>DTL</i>	-0.655	2.50E-03
<i>MIPEP</i>	-0.787	2.40E-03	<i>NVL</i>	-0.668	2.50E-03
<i>CERS4</i>	-0.792	2.40E-03	<i>ILF3</i>	-0.678	2.50E-03
<i>DECR2</i>	-0.799	2.40E-03	<i>ANKRD54</i>	-0.713	2.50E-03
<i>TCTN1</i>	-0.824	2.40E-03	<i>INTS7</i>	-0.723	2.50E-03
<i>ACADSB</i>	-0.826	2.40E-03	<i>C10orf2</i>	-0.728	2.50E-03
<i>SREBF1</i>	-0.832	2.40E-03	<i>RAD54B</i>	-0.753	2.50E-03
<i>RND2</i>	-0.844	2.40E-03	<i>POP1</i>	-0.755	2.50E-03
<i>DOCK6</i>	-0.855	2.40E-03	<i>C1orf172</i>	-0.830	2.50E-03
<i>KCNS2</i>	-0.859	2.40E-03	<i>RCC1</i>	-0.835	2.50E-03
<i>ASIC1</i>	-0.917	2.40E-03	<i>CFI</i>	1.010	2.60E-03
<i>PRRT3</i>	-0.936	2.40E-03	<i>CCND2</i>	0.680	2.60E-03
<i>MARVELD2</i>	-1.113	2.40E-03	<i>KCTD4</i>	-0.530	2.60E-03
<i>TTY10</i>	-0.707	2.50E-03	<i>TDRD5</i>	-0.570	2.60E-03
<i>FSIP1</i>	-0.759	2.50E-03	<i>ZNF473</i>	-0.578	2.60E-03
<i>DGKD</i>	-0.796	2.50E-03	<i>MAGOHB</i>	-0.588	2.60E-03
<i>ACVR1B</i>	-0.797	2.50E-03	<i>CLUAP1</i>	-0.593	2.60E-03
<i>RTN2</i>	-0.813	2.50E-03	<i>CACNB3</i>	-0.608	2.60E-03
<i>TLL1</i>	-0.818	2.50E-03	<i>SBK1</i>	-0.610	2.60E-03
<i>KDM4B</i>	-0.837	2.50E-03	<i>POLA1</i>	-0.628	2.60E-03
<i>KCTD1</i>	-0.840	2.50E-03	<i>NPM3</i>	-0.635	2.60E-03
<i>CLUL1</i>	-0.851	2.50E-03	<i>TMEM201</i>	-0.643	2.60E-03
<i>WWC2-AS2</i>	-0.854	2.50E-03	<i>CSNK1E</i>	-0.658	2.60E-03
<i>LONRF2</i>	-1.349	2.50E-03	<i>SOX12</i>	-0.670	2.60E-03
<i>SRGN</i>	2.075	2.60E-03	<i>MCM4</i>	-0.685	2.60E-03
<i>GIMAP2</i>	2.033	2.60E-03	<i>ARHGEF19</i>	-0.693	2.60E-03
<i>KLRK1</i>	1.813	2.60E-03	<i>WDR35</i>	-0.793	2.60E-03
<i>IL21R</i>	1.812	2.60E-03	<i>RNASE1</i>	1.003	2.70E-03
<i>PYHIN1</i>	1.773	2.60E-03	<i>FMO1</i>	0.963	2.70E-03
<i>ANKRD22</i>	1.693	2.60E-03	<i>LINC00341</i>	0.925	2.70E-03
<i>AZGP1</i>	-0.746	2.60E-03	<i>SHF</i>	-0.553	2.70E-03
<i>STARD6</i>	-0.748	2.60E-03	<i>TFAP2D</i>	-0.573	2.70E-03
<i>TFAP2A</i>	-0.817	2.60E-03	<i>BZRAP1</i>	-0.580	2.70E-03
<i>RTN4RL1</i>	-0.822	2.60E-03	<i>UBE3D</i>	-0.587	2.70E-03
<i>SOX6</i>	-0.834	2.60E-03	<i>SLC25A10</i>	-0.600	2.70E-03
<i>BCAM</i>	-0.842	2.60E-03	<i>LOC400752</i>	-0.617	2.70E-03
<i>GSS</i>	-0.859	2.60E-03	<i>CABYR</i>	-0.618	2.70E-03
<i>CLUAP1</i>	-0.865	2.60E-03	<i>TXLNG</i>	-0.620	2.70E-03

<i>C1orf194</i>	-0.869	2.60E-03	<i>MTBP</i>	-0.637	2.70E-03
<i>ANKS1B</i>	-0.899	2.60E-03	<i>FLVCR1</i>	-0.637	2.70E-03
<i>PCP2</i>	-0.965	2.60E-03	<i>LYSMD1</i>	-0.643	2.70E-03
<i>SSH3</i>	-0.995	2.60E-03	<i>SCRIB</i>	-0.645	2.70E-03
<i>SPATA6</i>	-1.073	2.60E-03	<i>NENF</i>	-0.660	2.70E-03
<i>WDR35</i>	-1.080	2.60E-03	<i>KRTCAP3</i>	-0.677	2.70E-03
<i>LOC401052</i>	-1.136	2.60E-03	<i>CCHCR1</i>	-0.690	2.70E-03
<i>APOL1</i>	1.924	2.70E-03	<i>BCL7A</i>	-0.733	2.70E-03
<i>SLC7A7</i>	1.912	2.70E-03	<i>SLC19A1</i>	-0.735	2.70E-03
<i>HLA-DRB1</i>	1.882	2.70E-03	<i>NR2C2AP</i>	-0.817	2.70E-03
<i>PTPN22</i>	1.863	2.70E-03	<i>STARD6</i>	-0.483	2.80E-03
<i>LOC96610</i>	1.180	2.70E-03	<i>C22orf29</i>	-0.545	2.80E-03
<i>DNASE1</i>	-0.708	2.70E-03	<i>SOX6</i>	-0.570	2.80E-03
<i>IFNA21</i>	-0.770	2.70E-03	<i>MCMDC2</i>	-0.570	2.80E-03
<i>LOC400752</i>	-0.829	2.70E-03	<i>SLMO1</i>	-0.578	2.80E-03
<i>UCN</i>	-0.840	2.70E-03	<i>HSPA4L</i>	-0.580	2.80E-03
<i>TACC2</i>	-0.844	2.70E-03	<i>GRHL2</i>	-0.583	2.80E-03
<i>DIP2C</i>	-0.887	2.70E-03	<i>KIFC1</i>	-0.590	2.80E-03
<i>TMEM145</i>	-0.888	2.70E-03	<i>SNRPD1</i>	-0.593	2.80E-03
<i>SLC25A29</i>	-0.896	2.70E-03	<i>SLC39A3</i>	-0.597	2.80E-03
<i>RAB26</i>	-0.904	2.70E-03	<i>CATSPER3</i>	-0.597	2.80E-03
<i>TTC39A</i>	-0.906	2.70E-03	<i>ANKRD23</i>	-0.597	2.80E-03
<i>RGL2</i>	-0.943	2.70E-03	<i>C10orf35</i>	-0.600	2.80E-03
<i>DNAAF3</i>	-0.996	2.70E-03	<i>GCAT</i>	-0.608	2.80E-03
<i>LMF1</i>	-1.017	2.70E-03	<i>PRDX2</i>	-0.610	2.80E-03
<i>PPP1R13B</i>	-1.039	2.70E-03	<i>SAC3D1</i>	-0.613	2.80E-03
<i>LOC113230</i>	-1.048	2.70E-03	<i>USP21</i>	-0.618	2.80E-03
<i>MMAB</i>	-1.140	2.70E-03	<i>SGOL1</i>	-0.627	2.80E-03
<i>IL2RB</i>	1.926	2.80E-03	<i>KIF22</i>	-0.635	2.80E-03
<i>GCET2</i>	1.471	2.80E-03	<i>KIAA1549</i>	-0.640	2.80E-03
<i>OLR1</i>	1.251	2.80E-03	<i>ANAPC7</i>	-0.640	2.80E-03
<i>RAB42</i>	0.716	2.80E-03	<i>FANCG</i>	-0.648	2.80E-03
<i>METTLL20</i>	-0.743	2.80E-03	<i>FEM1A</i>	-0.650	2.80E-03
<i>XRRA1</i>	-0.768	2.80E-03	<i>NEK2</i>	-0.653	2.80E-03
<i>PPFIA4</i>	-0.771	2.80E-03	<i>C1orf112</i>	-0.653	2.80E-03
<i>GRTP1</i>	-0.776	2.80E-03	<i>C17orf76-AS1</i>	-0.653	2.80E-03
<i>CPLX1</i>	-0.791	2.80E-03	<i>POLE</i>	-0.658	2.80E-03
<i>MGC3771</i>	-0.796	2.80E-03	<i>E2F1</i>	-0.673	2.80E-03
<i>ZNF527</i>	-0.801	2.80E-03	<i>BOLA1</i>	-0.705	2.80E-03
<i>PRRG2</i>	-0.809	2.80E-03	<i>AGBL5</i>	-0.748	2.80E-03
<i>NPNT</i>	-0.812	2.80E-03	<i>ZEB2</i>	1.160	2.90E-03
<i>GOLGA2P5</i>	-0.814	2.80E-03	<i>SLFN11</i>	0.987	2.90E-03
<i>GCAT</i>	-0.826	2.80E-03	<i>CPXM1</i>	0.817	2.90E-03
<i>DCXR</i>	-0.827	2.80E-03	<i>CHST7</i>	0.680	2.90E-03
<i>LOC338799</i>	-0.832	2.80E-03	<i>C3orf80</i>	0.487	2.90E-03
<i>FBRSL1</i>	-0.832	2.80E-03	<i>RASD2</i>	-0.540	2.90E-03
<i>ZNF687</i>	-0.843	2.80E-03	<i>ATP6V1E2</i>	-0.543	2.90E-03
<i>NECAB3</i>	-0.843	2.80E-03	<i>FKBP4</i>	-0.593	2.90E-03
<i>KIAA1549</i>	-0.847	2.80E-03	<i>C1orf210</i>	-0.597	2.90E-03
<i>PIK3R2</i>	-0.852	2.80E-03	<i>TLL12</i>	-0.610	2.90E-03
<i>KIAA0556</i>	-0.854	2.80E-03	<i>DPCD</i>	-0.613	2.90E-03

<i>UNC5CL</i>	-0.874	2.80E-03	<i>ATAD2</i>	-0.623	2.90E-03
<i>GEMIN8</i>	-0.887	2.80E-03	<i>WDR43</i>	-0.625	2.90E-03
<i>ZNF395</i>	-0.893	2.80E-03	<i>ZNF24</i>	-0.628	2.90E-03
<i>PLEKHA6</i>	-0.914	2.80E-03	<i>FLJ37453</i>	-0.657	2.90E-03
<i>CADM2</i>	-0.930	2.80E-03	<i>VAX2</i>	-0.665	2.90E-03
<i>CATSPER3</i>	-0.938	2.80E-03	<i>ZMYND19</i>	-0.687	2.90E-03
<i>BBS1</i>	-0.944	2.80E-03	<i>MCAT</i>	-0.688	2.90E-03
<i>MCMDC2</i>	-0.947	2.80E-03	<i>DOM3Z</i>	-0.775	2.90E-03
<i>KIAA1429</i>	-1.001	2.80E-03	<i>LAIR1</i>	1.183	3.00E-03
<i>CHADL</i>	-1.003	2.80E-03	<i>PCSK5</i>	0.788	3.00E-03
<i>SPATA18</i>	-1.017	2.80E-03	<i>LYG2</i>	-0.537	3.00E-03
<i>FAAH</i>	-1.083	2.80E-03	<i>CYB5R2</i>	-0.540	3.00E-03
<i>PTPRC</i>	2.053	2.90E-03	<i>SLC25A2</i>	-0.560	3.00E-03
<i>MLKL</i>	1.984	2.90E-03	<i>HES6</i>	-0.563	3.00E-03
<i>ACSL5</i>	1.605	2.90E-03	<i>ZNF16</i>	-0.568	3.00E-03
<i>ASPHD2</i>	1.100	2.90E-03	<i>C1orf111</i>	-0.573	3.00E-03
<i>FAM70A</i>	0.714	2.90E-03	<i>KLHL17</i>	-0.577	3.00E-03
<i>HOXC10</i>	-0.675	2.90E-03	<i>MORC2</i>	-0.578	3.00E-03
<i>TEX33</i>	-0.699	2.90E-03	<i>POLR2H</i>	-0.580	3.00E-03
<i>WBP2NL</i>	-0.707	2.90E-03	<i>MIF</i>	-0.580	3.00E-03
<i>KAZN</i>	-0.751	2.90E-03	<i>GCDH</i>	-0.585	3.00E-03
<i>FAM131A</i>	-0.782	2.90E-03	<i>MLF1IP</i>	-0.593	3.00E-03
<i>LRP2BP</i>	-0.787	2.90E-03	<i>PHKA1</i>	-0.595	3.00E-03
<i>ADARB2</i>	-0.792	2.90E-03	<i>DICER1-AS1</i>	-0.597	3.00E-03
<i>USP40</i>	-0.802	2.90E-03	<i>PARPBP</i>	-0.600	3.00E-03
<i>CCNB3</i>	-0.806	2.90E-03	<i>NAA25</i>	-0.603	3.00E-03
<i>DMRTB1</i>	-0.809	2.90E-03	<i>TIMM44</i>	-0.615	3.00E-03
<i>SLC22A17</i>	-0.810	2.90E-03	<i>LIN9</i>	-0.617	3.00E-03
<i>ASB14</i>	-0.820	2.90E-03	<i>CKAP2L</i>	-0.617	3.00E-03
<i>DNASE1L2</i>	-0.827	2.90E-03	<i>TOP1MT</i>	-0.623	3.00E-03
<i>C2orf77</i>	-0.836	2.90E-03	<i>AZ11</i>	-0.635	3.00E-03
<i>IGF1R</i>	-0.839	2.90E-03	<i>CIT</i>	-0.638	3.00E-03
<i>C20orf96</i>	-0.860	2.90E-03	<i>OR7E24</i>	-0.655	3.00E-03
<i>ARHGAP33</i>	-0.864	2.90E-03	<i>TMEM97</i>	-0.660	3.00E-03
<i>GKAP1</i>	-0.867	2.90E-03	<i>GINS2</i>	-0.675	3.00E-03
<i>CMBL</i>	-0.884	2.90E-03	<i>MGC27345</i>	-0.677	3.00E-03
<i>LCA5L</i>	-0.885	2.90E-03	<i>MYEF2</i>	-0.683	3.00E-03
<i>SPRYD7</i>	-0.890	2.90E-03	<i>TROAP</i>	-0.690	3.00E-03
<i>FAM174B</i>	-0.940	2.90E-03	<i>SNRPE</i>	-0.720	3.00E-03
<i>LRRC73</i>	-1.008	2.90E-03	<i>GPR34</i>	0.987	3.10E-03
<i>TMEM99</i>	-1.067	2.90E-03	<i>ACP5</i>	0.890	3.10E-03
<i>VPS37D</i>	-1.190	2.90E-03	<i>CLUL1</i>	-0.513	3.10E-03
<i>LYZ</i>	1.723	3.00E-03	<i>ZSCAN20</i>	-0.513	3.10E-03
<i>PLCL2</i>	1.540	3.00E-03	<i>SDR9C7</i>	-0.517	3.10E-03
<i>PLCXD2</i>	1.003	3.00E-03	<i>TFDP2</i>	-0.538	3.10E-03
<i>ANKRD36BP2</i>	0.869	3.00E-03	<i>FHDC1</i>	-0.553	3.10E-03
<i>ZNF713</i>	-0.697	3.00E-03	<i>SLC5A8</i>	-0.557	3.10E-03
<i>FAM228A</i>	-0.698	3.00E-03	<i>FAM131A</i>	-0.558	3.10E-03
<i>LYG2</i>	-0.754	3.00E-03	<i>XRCC6BP1</i>	-0.567	3.10E-03
<i>C6orf225</i>	-0.794	3.00E-03	<i>RPRML</i>	-0.570	3.10E-03
<i>PHKA1</i>	-0.798	3.00E-03	<i>ABCA3</i>	-0.575	3.10E-03

<i>LPHN1</i>	-0.807	3.00E-03	<i>SUDS3</i>	-0.577	3.10E-03
<i>THSD4</i>	-0.809	3.00E-03	<i>F12</i>	-0.583	3.10E-03
<i>MAST2</i>	-0.816	3.00E-03	<i>LIN54</i>	-0.587	3.10E-03
<i>NAT6</i>	-0.818	3.00E-03	<i>DHTKD1</i>	-0.590	3.10E-03
<i>SPPL3</i>	-0.826	3.00E-03	<i>C12orf73</i>	-0.590	3.10E-03
<i>RDH13</i>	-0.827	3.00E-03	<i>HELLS</i>	-0.597	3.10E-03
<i>SMCR7</i>	-0.828	3.00E-03	<i>TCEB2</i>	-0.598	3.10E-03
<i>SLC22A5</i>	-0.831	3.00E-03	<i>ELAVL1</i>	-0.603	3.10E-03
<i>UBN2</i>	-0.839	3.00E-03	<i>STRA13</i>	-0.605	3.10E-03
<i>FAM46B</i>	-0.839	3.00E-03	<i>PHLPP1</i>	-0.610	3.10E-03
<i>YBX2</i>	-0.852	3.00E-03	<i>PRKCZ</i>	-0.618	3.10E-03
<i>SHISA4</i>	-0.887	3.00E-03	<i>GTF2H4</i>	-0.620	3.10E-03
<i>MAGI3</i>	-0.921	3.00E-03	<i>DNAH14</i>	-0.630	3.10E-03
<i>SNRPE</i>	-0.930	3.00E-03	<i>ZNF497</i>	-0.637	3.10E-03
<i>JMJD8</i>	-0.954	3.00E-03	<i>KIF15</i>	-0.640	3.10E-03
<i>DICER1-AS1</i>	-0.976	3.00E-03	<i>INTS3</i>	-0.650	3.10E-03
<i>LRRC56</i>	-0.987	3.00E-03	<i>TRAP1</i>	-0.670	3.10E-03
<i>GOLT1A</i>	-0.992	3.00E-03	<i>HMGXB4</i>	-0.670	3.10E-03
<i>PRPF40B</i>	-0.992	3.00E-03	<i>EXOSC2</i>	-0.683	3.10E-03
<i>MYEF2</i>	-1.098	3.00E-03	<i>PRR22</i>	-0.693	3.10E-03
<i>RGS18</i>	1.756	3.10E-03	<i>SFXN4</i>	-0.703	3.10E-03
<i>NPL</i>	1.730	3.10E-03	<i>CHDH</i>	-0.717	3.10E-03
<i>LYSMD2</i>	1.555	3.10E-03	<i>DHRS13</i>	-0.720	3.10E-03
<i>MMP7</i>	1.085	3.10E-03	<i>SLA</i>	1.178	3.20E-03
<i>RAB9BP1</i>	-0.659	3.10E-03	<i>SFRP4</i>	1.060	3.20E-03
<i>HBZ</i>	-0.690	3.10E-03	<i>ARL4C</i>	0.838	3.20E-03
<i>CCDC148</i>	-0.789	3.10E-03	<i>PCDHGC4</i>	-0.550	3.20E-03
<i>C1orf226</i>	-0.797	3.10E-03	<i>ACTR3B</i>	-0.563	3.20E-03
<i>MZT2B</i>	-0.798	3.10E-03	<i>ZNF326</i>	-0.580	3.20E-03
<i>HKR1</i>	-0.817	3.10E-03	<i>KHK</i>	-0.590	3.20E-03
<i>ABCA3</i>	-0.828	3.10E-03	<i>ZNF397</i>	-0.593	3.20E-03
<i>BAIAP2</i>	-0.832	3.10E-03	<i>ALKBH2</i>	-0.603	3.20E-03
<i>PEX19</i>	-0.844	3.10E-03	<i>FANCI</i>	-0.620	3.20E-03
<i>PTOV1</i>	-0.860	3.10E-03	<i>TSEN54</i>	-0.627	3.20E-03
<i>SERINC2</i>	-0.867	3.10E-03	<i>LIG1</i>	-0.678	3.20E-03
<i>ZNF497</i>	-0.869	3.10E-03	<i>SAYS1</i>	-0.718	3.20E-03
<i>TTC18</i>	-0.874	3.10E-03	<i>CD320</i>	-0.720	3.20E-03
<i>TBX3</i>	-0.879	3.10E-03	<i>PSMC3IP</i>	-0.725	3.20E-03
<i>LRRC43</i>	-0.894	3.10E-03	<i>GIMAP4</i>	1.180	3.30E-03
<i>BNIP1</i>	-0.908	3.10E-03	<i>GALM</i>	0.867	3.30E-03
<i>NR2E3</i>	-0.909	3.10E-03	<i>FABP4</i>	0.700	3.30E-03
<i>SERTAD4</i>	-0.920	3.10E-03	<i>GPR37</i>	-0.460	3.30E-03
<i>CASZ1</i>	-0.923	3.10E-03	<i>DYDC2</i>	-0.513	3.30E-03
<i>MAPT</i>	-0.938	3.10E-03	<i>C2orf70</i>	-0.523	3.30E-03
<i>RAB40C</i>	-0.946	3.10E-03	<i>PAQR9</i>	-0.533	3.30E-03
<i>DHRS13</i>	-0.948	3.10E-03	<i>SERPIN11</i>	-0.540	3.30E-03
<i>GAS8</i>	-0.958	3.10E-03	<i>ANKS6</i>	-0.553	3.30E-03
<i>WDR90</i>	-1.074	3.10E-03	<i>FLJ25328</i>	-0.570	3.30E-03
<i>CHDH</i>	-1.110	3.10E-03	<i>ABCB8</i>	-0.585	3.30E-03
<i>EFHC1</i>	-1.148	3.10E-03	<i>PTCHD2</i>	-0.587	3.30E-03
<i>LPAR5</i>	1.203	3.20E-03	<i>TSFM</i>	-0.590	3.30E-03

<i>COX7B2</i>	0.347	3.20E-03	<i>POCIA</i>	-0.597	3.30E-03
<i>HOXC4</i>	-0.696	3.20E-03	<i>CDT1</i>	-0.600	3.30E-03
<i>PBOV1</i>	-0.800	3.20E-03	<i>STMN1</i>	-0.613	3.30E-03
<i>SHANK2</i>	-0.811	3.20E-03	<i>WEE1</i>	-0.615	3.30E-03
<i>ZNF853</i>	-0.813	3.20E-03	<i>PAK6</i>	-0.615	3.30E-03
<i>CDKL3</i>	-0.848	3.20E-03	<i>MORN2</i>	-0.627	3.30E-03
<i>VPS13D</i>	-0.865	3.20E-03	<i>CACYBP</i>	-0.628	3.30E-03
<i>FBLL1</i>	-0.875	3.20E-03	<i>SNHG11</i>	-0.630	3.30E-03
<i>FBXL16</i>	-0.927	3.20E-03	<i>HOOK1</i>	-0.650	3.30E-03
<i>MIPOL1</i>	-0.971	3.20E-03	<i>CENPV</i>	-0.653	3.30E-03
<i>PSMB9</i>	2.098	3.30E-03	<i>TIGD1</i>	-0.680	3.30E-03
<i>SERPINB9</i>	1.548	3.30E-03	<i>POLD2</i>	-0.765	3.30E-03
<i>SPATA9</i>	-0.633	3.30E-03	<i>NT5C3L</i>	-0.860	3.30E-03
<i>FOXA1</i>	-0.733	3.30E-03	<i>NCF2</i>	1.155	3.40E-03
<i>WDPCP</i>	-0.743	3.30E-03	<i>LCP2</i>	1.145	3.40E-03
<i>MSI2</i>	-0.752	3.30E-03	<i>GPR65</i>	1.123	3.40E-03
<i>RPS6KA6</i>	-0.753	3.30E-03	<i>CARD6</i>	1.083	3.40E-03
<i>ANKRD35</i>	-0.759	3.30E-03	<i>NPL</i>	0.968	3.40E-03
<i>NPHP1</i>	-0.767	3.30E-03	<i>MCTP1</i>	0.908	3.40E-03
<i>SLC16A5</i>	-0.785	3.30E-03	<i>HIST1H2BO</i>	-0.465	3.40E-03
<i>RNF112</i>	-0.794	3.30E-03	<i>SIAH3</i>	-0.487	3.40E-03
<i>MST1P9</i>	-0.795	3.30E-03	<i>ZNF511</i>	-0.580	3.40E-03
<i>TMEM141</i>	-0.800	3.30E-03	<i>ACBD6</i>	-0.580	3.40E-03
<i>FAM210B</i>	-0.802	3.30E-03	<i>CTPS2</i>	-0.588	3.40E-03
<i>PLA2G12A</i>	-0.805	3.30E-03	<i>STRN</i>	-0.590	3.40E-03
<i>ABCB8</i>	-0.824	3.30E-03	<i>KIF12</i>	-0.593	3.40E-03
<i>DRD2</i>	-0.832	3.30E-03	<i>PUF60</i>	-0.598	3.40E-03
<i>COL28A1</i>	-0.838	3.30E-03	<i>TMEM54</i>	-0.600	3.40E-03
<i>RUNDC1</i>	-0.840	3.30E-03	<i>LOC100128292</i>	-0.600	3.40E-03
<i>FLJ25328</i>	-0.854	3.30E-03	<i>NPEPL1</i>	-0.605	3.40E-03
<i>TRIQQ</i>	-0.866	3.30E-03	<i>NR2F6</i>	-0.608	3.40E-03
<i>TBC1D24</i>	-0.870	3.30E-03	<i>UBAP2</i>	-0.610	3.40E-03
<i>EPB41L5</i>	-0.924	3.30E-03	<i>DYX1C1</i>	-0.620	3.40E-03
<i>PLIN5</i>	-0.951	3.30E-03	<i>C1orf51</i>	-0.633	3.40E-03
<i>KIAA1244</i>	-0.957	3.30E-03	<i>IMMP1L</i>	-0.637	3.40E-03
<i>KIAA1467</i>	-0.960	3.30E-03	<i>GNAZ</i>	-0.640	3.40E-03
<i>SMIM1</i>	-0.998	3.30E-03	<i>GCFC2</i>	-0.643	3.40E-03
<i>CTDSPL</i>	-1.032	3.30E-03	<i>STRBP</i>	-0.653	3.40E-03
<i>NT5C3L</i>	-1.046	3.30E-03	<i>TMEM18</i>	-0.667	3.40E-03
<i>SNHG11</i>	-1.095	3.30E-03	<i>IPO9</i>	-0.670	3.40E-03
<i>TCEA3</i>	-1.096	3.30E-03	<i>MDH1B</i>	-0.677	3.40E-03
<i>ERBB3</i>	-1.099	3.30E-03	<i>TTC28-AS1</i>	-0.720	3.40E-03
<i>SUGT1P3</i>	-1.130	3.30E-03	<i>PDGFRL</i>	0.848	3.50E-03
<i>KLHL6</i>	1.793	3.40E-03	<i>FAM24B</i>	-0.490	3.50E-03
<i>LOC654433</i>	0.419	3.40E-03	<i>C1orf226</i>	-0.520	3.50E-03
<i>HOXC13</i>	-0.707	3.40E-03	<i>ZP4</i>	-0.537	3.50E-03
<i>FAM184B</i>	-0.714	3.40E-03	<i>ZNF165</i>	-0.550	3.50E-03
<i>PRSS35</i>	-0.738	3.40E-03	<i>PCGF1</i>	-0.555	3.50E-03
<i>LCE1B</i>	-0.751	3.40E-03	<i>FANCE</i>	-0.563	3.50E-03
<i>INPP5A</i>	-0.785	3.40E-03	<i>COBL</i>	-0.563	3.50E-03
<i>LOC728431</i>	-0.786	3.40E-03	<i>FAM222A</i>	-0.567	3.50E-03

<i>RAB17</i>	-0.794	3.40E-03	<i>RTKN</i>	-0.583	3.50E-03
<i>TMEM161B</i>	-0.798	3.40E-03	<i>WDR90</i>	-0.587	3.50E-03
<i>C6orf136</i>	-0.799	3.40E-03	<i>RFC5</i>	-0.628	3.50E-03
<i>PXMP4</i>	-0.809	3.40E-03	<i>MZT2A</i>	-0.658	3.50E-03
<i>HOXC11</i>	-0.810	3.40E-03	<i>CENPF</i>	-0.673	3.50E-03
<i>PRR22</i>	-0.813	3.40E-03	<i>CEP85</i>	-0.678	3.50E-03
<i>SPRED2</i>	-0.851	3.40E-03	<i>ZNF250</i>	-0.683	3.50E-03
<i>ARHGEF26</i>	-0.872	3.40E-03	<i>FBXO41</i>	-0.685	3.50E-03
<i>HSBP1L1</i>	-0.885	3.40E-03	<i>NRF1</i>	-0.688	3.50E-03
<i>KCTD6</i>	-0.885	3.40E-03	<i>GIMAP8</i>	1.093	3.60E-03
<i>ZNF709</i>	-0.886	3.40E-03	<i>AKAP12</i>	0.940	3.60E-03
<i>FLJ10661</i>	-0.902	3.40E-03	<i>EML6</i>	-0.513	3.60E-03
<i>FLJ90757</i>	-0.905	3.40E-03	<i>CHRAC1</i>	-0.530	3.60E-03
<i>MDH1B</i>	-0.921	3.40E-03	<i>WDPCP</i>	-0.533	3.60E-03
<i>TLE2</i>	-0.942	3.40E-03	<i>WNK3</i>	-0.573	3.60E-03
<i>HSD11B1L</i>	-1.010	3.40E-03	<i>TIGD3</i>	-0.580	3.60E-03
<i>KIF12</i>	-1.073	3.40E-03	<i>VPS37D</i>	-0.583	3.60E-03
<i>PARP14</i>	2.040	3.50E-03	<i>NDUFAF4</i>	-0.590	3.60E-03
<i>BTN2A2</i>	1.569	3.50E-03	<i>PFDN6</i>	-0.593	3.60E-03
<i>TMEM200A</i>	1.277	3.50E-03	<i>TMEM143</i>	-0.607	3.60E-03
<i>EMB</i>	1.177	3.50E-03	<i>LSM4</i>	-0.608	3.60E-03
<i>FAM46C</i>	1.041	3.50E-03	<i>PSTK</i>	-0.623	3.60E-03
<i>HOMER2</i>	-0.669	3.50E-03	<i>C8orf82</i>	-0.627	3.60E-03
<i>WDR17</i>	-0.728	3.50E-03	<i>ZNF396</i>	-0.643	3.60E-03
<i>AP4M1</i>	-0.734	3.50E-03	<i>WDR60</i>	-0.648	3.60E-03
<i>NOXRED1</i>	-0.735	3.50E-03	<i>TRAIP</i>	-0.648	3.60E-03
<i>C1orf100</i>	-0.737	3.50E-03	<i>KIAA0895</i>	-0.653	3.60E-03
<i>FGFR3</i>	-0.787	3.50E-03	<i>GSTO2</i>	-0.690	3.60E-03
<i>ACSS2</i>	-0.791	3.50E-03	<i>MBLAC1</i>	-0.697	3.60E-03
<i>ZNF3</i>	-0.794	3.50E-03	<i>C16orf55</i>	-0.697	3.60E-03
<i>SERTAD4-AS1</i>	-0.825	3.50E-03	<i>CNKSRI</i>	-0.790	3.60E-03
<i>ALDH6A1</i>	-0.852	3.50E-03	<i>C1R</i>	1.185	3.70E-03
<i>ZNF177</i>	-0.858	3.50E-03	<i>C2</i>	1.073	3.70E-03
<i>BTBD9</i>	-0.864	3.50E-03	<i>HLA-DRB1</i>	1.038	3.70E-03
<i>ZNF491</i>	-0.868	3.50E-03	<i>VEGFC</i>	1.028	3.70E-03
<i>SLC25A35</i>	-0.870	3.50E-03	<i>CELF2</i>	0.968	3.70E-03
<i>CCDC151</i>	-0.899	3.50E-03	<i>C16orf54</i>	0.843	3.70E-03
<i>C17orf28</i>	-0.903	3.50E-03	<i>FAM70A</i>	0.505	3.70E-03
<i>LOC100129794</i>	-1.147	3.50E-03	<i>LRRC19</i>	-0.438	3.70E-03
<i>CREB3L4</i>	-1.290	3.50E-03	<i>RPS6KA6</i>	-0.520	3.70E-03
<i>ST8SIA4</i>	1.759	3.60E-03	<i>MFSD4</i>	-0.540	3.70E-03
<i>SAMD3</i>	1.642	3.60E-03	<i>COL28A1</i>	-0.540	3.70E-03
<i>CXorf61</i>	0.446	3.60E-03	<i>TDH</i>	-0.553	3.70E-03
<i>FXYD4</i>	-0.704	3.60E-03	<i>LOC440356</i>	-0.563	3.70E-03
<i>RPH3AL</i>	-0.707	3.60E-03	<i>MIPOL1</i>	-0.573	3.70E-03
<i>OR7E24</i>	-0.734	3.60E-03	<i>PGAP2</i>	-0.583	3.70E-03
<i>NALCN</i>	-0.735	3.60E-03	<i>SNX22</i>	-0.583	3.70E-03
<i>CHST10</i>	-0.790	3.60E-03	<i>LOC284889</i>	-0.583	3.70E-03
<i>DUSP8</i>	-0.800	3.60E-03	<i>AFG3L2</i>	-0.593	3.70E-03
<i>SOGA1</i>	-0.811	3.60E-03	<i>KIF2C</i>	-0.605	3.70E-03
<i>TMEM9</i>	-0.812	3.60E-03	<i>ARL9</i>	-0.617	3.70E-03

<i>LRRC48</i>	-0.817	3.60E-03	<i>PXMP2</i>	-0.635	3.70E-03
<i>ADPRHL1</i>	-0.838	3.60E-03	<i>DVL1</i>	-0.643	3.70E-03
<i>ADCY9</i>	-0.865	3.60E-03	<i>ZNF554</i>	-0.737	3.70E-03
<i>POMT2</i>	-0.870	3.60E-03	<i>CD93</i>	1.123	3.80E-03
<i>LAMB2P1</i>	-0.886	3.60E-03	<i>CECR1</i>	1.000	3.80E-03
<i>ZCWPW2</i>	-0.889	3.60E-03	<i>PLCL2</i>	0.858	3.80E-03
<i>KRT18</i>	-0.898	3.60E-03	<i>CDC14C</i>	-0.410	3.80E-03
<i>GRK4</i>	-0.962	3.60E-03	<i>C7orf13</i>	-0.467	3.80E-03
<i>RHOD</i>	-0.974	3.60E-03	<i>HIST1H2BB</i>	-0.475	3.80E-03
<i>GSTO2</i>	-1.046	3.60E-03	<i>TFAP2C</i>	-0.508	3.80E-03
<i>WDR60</i>	-1.144	3.60E-03	<i>TBL1X</i>	-0.510	3.80E-03
<i>ZNF396</i>	-1.278	3.60E-03	<i>BOLL</i>	-0.543	3.80E-03
<i>GIMAP7</i>	1.843	3.70E-03	<i>WDYHV1</i>	-0.560	3.80E-03
<i>SLFN11</i>	1.665	3.70E-03	<i>CECR5</i>	-0.565	3.80E-03
<i>KLHDC7B</i>	1.660	3.70E-03	<i>36892</i>	-0.577	3.80E-03
<i>LAIR2</i>	0.990	3.70E-03	<i>VPS72</i>	-0.580	3.80E-03
<i>IDI2</i>	-0.623	3.70E-03	<i>SCML2</i>	-0.595	3.80E-03
<i>PLA2G10</i>	-0.631	3.70E-03	<i>ZNF692</i>	-0.695	3.80E-03
<i>LETM2</i>	-0.680	3.70E-03	<i>C17orf69</i>	-0.723	3.80E-03
<i>ETNK2</i>	-0.681	3.70E-03	<i>FAM53A</i>	-0.727	3.80E-03
<i>FHDC1</i>	-0.732	3.70E-03	<i>FSTL1</i>	1.200	3.90E-03
<i>MACROD2</i>	-0.750	3.70E-03	<i>GREM1</i>	0.868	3.90E-03
<i>PAK6</i>	-0.755	3.70E-03	<i>ST3GAL5</i>	0.828	3.90E-03
<i>MPP7</i>	-0.759	3.70E-03	<i>CYP4Z2P</i>	0.253	3.90E-03
<i>DYX1C1</i>	-0.775	3.70E-03	<i>STK33</i>	-0.500	3.90E-03
<i>CNNM2</i>	-0.781	3.70E-03	<i>IBA57</i>	-0.537	3.90E-03
<i>SH3RF1</i>	-0.792	3.70E-03	<i>REPIN1</i>	-0.538	3.90E-03
<i>WDR31</i>	-0.809	3.70E-03	<i>TSNARE1</i>	-0.550	3.90E-03
<i>SRCIN1</i>	-0.818	3.70E-03	<i>CELSR2</i>	-0.573	3.90E-03
<i>CRNDE</i>	-0.843	3.70E-03	<i>GATAD2B</i>	-0.573	3.90E-03
<i>LOC284440</i>	-0.846	3.70E-03	<i>TMEM9</i>	-0.577	3.90E-03
<i>DVL1</i>	-0.852	3.70E-03	<i>FAM189B</i>	-0.623	3.90E-03
<i>MKS1</i>	-0.853	3.70E-03	<i>IL17RB</i>	-0.660	3.90E-03
<i>VPS52</i>	-0.870	3.70E-03	<i>SNHG15</i>	-0.687	3.90E-03
<i>CCDC106</i>	-0.879	3.70E-03	<i>GIMAP1</i>	1.083	4.00E-03
<i>C1orf88</i>	-0.956	3.70E-03	<i>C5orf62</i>	0.833	4.00E-03
<i>LOC145837</i>	-0.971	3.70E-03	<i>SLC22A3</i>	0.465	4.00E-03
<i>ZNF554</i>	-1.018	3.70E-03	<i>LDHC</i>	-0.495	4.00E-03
<i>LILRB2</i>	1.949	3.80E-03	<i>PPIL6</i>	-0.510	4.00E-03
<i>SLAMF8</i>	1.945	3.80E-03	<i>RNF8</i>	-0.530	4.00E-03
<i>GCH1</i>	1.847	3.80E-03	<i>HSBP1L1</i>	-0.553	4.00E-03
<i>RNF145</i>	1.256	3.80E-03	<i>IQGAP3</i>	-0.567	4.00E-03
<i>SUCNR1</i>	1.060	3.80E-03	<i>ASIC1</i>	-0.573	4.00E-03
<i>PDE4DIP</i>	0.864	3.80E-03	<i>DUS4L</i>	-0.615	4.00E-03
<i>LRRC19</i>	-0.587	3.80E-03	<i>ASNS</i>	-0.525	4.10E-03
<i>PDZK1</i>	-0.659	3.80E-03	<i>DSCR6</i>	-0.538	4.10E-03
<i>RERG</i>	-0.749	3.80E-03	<i>PLD6</i>	-0.543	4.10E-03
<i>C17orf76-AS1</i>	-0.769	3.80E-03	<i>C8orf49</i>	-0.573	4.10E-03
<i>GNAZ</i>	-0.783	3.80E-03	<i>POLE2</i>	-0.580	4.10E-03
<i>FMO5</i>	-0.785	3.80E-03	<i>TADA1</i>	-0.587	4.10E-03
<i>STH</i>	-0.810	3.80E-03	<i>CHAF1A</i>	-0.638	4.10E-03

<i>MPP2</i>	-0.818	3.80E-03	<i>EVI2B</i>	1.190	4.20E-03
<i>KLHL26</i>	-0.819	3.80E-03	<i>LY86</i>	1.150	4.20E-03
<i>NOP14-AS1</i>	-0.829	3.80E-03	<i>AP1S2</i>	0.998	4.20E-03
<i>HHAT</i>	-0.853	3.80E-03	<i>SERTAD4</i>	-0.503	4.20E-03
<i>C17orf69</i>	-0.917	3.80E-03	<i>GLB1L2</i>	-0.523	4.20E-03
<i>C2orf63</i>	-0.965	3.80E-03	<i>FKBPL</i>	-0.545	4.20E-03
<i>ZNF692</i>	-1.056	3.80E-03	<i>RBFA</i>	-0.573	4.20E-03
<i>IRF8</i>	1.873	3.90E-03	<i>OR52D1</i>	-0.590	4.20E-03
<i>CLEC12A</i>	1.444	3.90E-03	<i>SEPT5</i>	-0.600	4.20E-03
<i>PCED1B</i>	1.393	3.90E-03	<i>SSX2IP</i>	-0.640	4.20E-03
<i>CTTN</i>	-0.730	3.90E-03	<i>APITD1</i>	-0.645	4.20E-03
<i>CYB5D1</i>	-0.737	3.90E-03	<i>HLA-DMB</i>	1.118	4.30E-03
<i>C20orf152</i>	-0.743	3.90E-03	<i>PRKCH</i>	0.905	4.30E-03
<i>CASC1</i>	-0.744	3.90E-03	<i>MEOX2</i>	0.725	4.30E-03
<i>ZNF596</i>	-0.757	3.90E-03	<i>C22orf23</i>	-0.517	4.30E-03
<i>C16orf45</i>	-0.773	3.90E-03	<i>UPP2</i>	-0.547	4.30E-03
<i>CSMD1</i>	-0.780	3.90E-03	<i>SOGA1</i>	-0.547	4.30E-03
<i>RING1</i>	-0.814	3.90E-03	<i>NOP14-AS1</i>	-0.560	4.30E-03
<i>LOC100132356</i>	-0.924	3.90E-03	<i>CDK20</i>	-0.560	4.30E-03
<i>KIAA1324</i>	-0.933	3.90E-03	<i>SMIM1</i>	-0.573	4.30E-03
<i>BBS5</i>	-0.938	3.90E-03	<i>LOC100287482</i>	-0.640	4.30E-03
<i>CC2D2A</i>	-1.094	3.90E-03	<i>HLA-DMA</i>	1.110	4.40E-03
<i>RSPO3</i>	1.315	4.00E-03	<i>LAT2</i>	1.025	4.40E-03
<i>NLRP7</i>	0.682	4.00E-03	<i>STAMBPL1</i>	0.907	4.40E-03
<i>RASEF</i>	-0.715	4.00E-03	<i>NDN</i>	0.875	4.40E-03
<i>AQP11</i>	-0.729	4.00E-03	<i>LMO2</i>	0.835	4.40E-03
<i>FAM71F1</i>	-0.745	4.00E-03	<i>RAB36</i>	-0.530	4.40E-03
<i>PC</i>	-0.752	4.00E-03	<i>FLJ10661</i>	-0.530	4.40E-03
<i>MYB</i>	-0.771	4.00E-03	<i>TMEM241</i>	-0.557	4.40E-03
<i>TMEM134</i>	-0.807	4.00E-03	<i>WBSCR22</i>	-0.570	4.40E-03
<i>SLC25A4</i>	-0.819	4.00E-03	<i>AARS2</i>	-0.570	4.40E-03
<i>C9orf152</i>	-0.908	4.00E-03	<i>SEMA4F</i>	-0.578	4.40E-03
<i>PLEKHH1</i>	-0.912	4.00E-03	<i>USP39</i>	-0.653	4.40E-03
<i>LOC284023</i>	-0.913	4.00E-03	<i>TYROBP</i>	1.193	4.50E-03
<i>ZHX3</i>	-0.914	4.00E-03	<i>NCKAP1L</i>	1.178	4.50E-03
<i>TMEM8B</i>	-1.017	4.00E-03	<i>ITGAM</i>	1.125	4.50E-03
<i>CLEC4A</i>	1.922	4.10E-03	<i>HCLS1</i>	1.120	4.50E-03
<i>GIMAP1</i>	1.874	4.10E-03	<i>CPA3</i>	0.890	4.50E-03
<i>CTLA4</i>	1.760	4.10E-03	<i>STEAP1</i>	0.793	4.50E-03
<i>RASSF5</i>	1.755	4.10E-03	<i>SIX2</i>	-0.503	4.50E-03
<i>ZNF319</i>	1.076	4.10E-03	<i>SLC41A3</i>	-0.523	4.50E-03
<i>NUDT4</i>	-0.664	4.10E-03	<i>WDR73</i>	-0.548	4.50E-03
<i>RAB15</i>	-0.674	4.10E-03	<i>NDUFAF6</i>	-0.553	4.50E-03
<i>KBTBD10</i>	-0.752	4.10E-03	<i>ERBB3</i>	-0.573	4.50E-03
<i>COQ7</i>	-0.778	4.10E-03	<i>ZNF777</i>	-0.640	4.50E-03
<i>CDAN1</i>	-0.778	4.10E-03	<i>TMEM68</i>	-0.657	4.50E-03
<i>SPIRE2</i>	-0.782	4.10E-03	<i>KIF9</i>	-0.677	4.50E-03
<i>CACNA2D2</i>	-0.788	4.10E-03	<i>FAM83H</i>	-0.697	4.50E-03
<i>ZNRF3</i>	-0.788	4.10E-03	<i>LPAR5</i>	0.683	4.60E-03
<i>MST1</i>	-0.845	4.10E-03	<i>RAB9BP1</i>	-0.445	4.60E-03
<i>WNK4</i>	-0.867	4.10E-03	<i>MYO1H</i>	-0.453	4.60E-03

<i>PLAC8L1</i>	-0.882	4.10E-03	<i>ZSWIM3</i>	-0.470	4.60E-03
<i>CASP1</i>	2.007	4.20E-03	<i>MANEAL</i>	-0.507	4.60E-03
<i>HLA-DQB1</i>	1.740	4.20E-03	<i>CRCP</i>	-0.523	4.60E-03
<i>CLEC2D</i>	1.525	4.20E-03	<i>SNAP47</i>	-0.563	4.60E-03
<i>SELE</i>	0.996	4.20E-03	<i>HHEX</i>	0.730	4.70E-03
<i>GCNT1</i>	0.708	4.20E-03	<i>TFAP2A</i>	-0.508	4.70E-03
<i>RSPO2</i>	-0.606	4.20E-03	<i>SIMI</i>	-0.520	4.70E-03
<i>GLS2</i>	-0.737	4.20E-03	<i>SLC25A17</i>	-0.545	4.70E-03
<i>ZNF563</i>	-0.751	4.20E-03	<i>KIF3A</i>	-0.565	4.70E-03
<i>C7orf63</i>	-0.763	4.20E-03	<i>POLR2D</i>	-0.580	4.70E-03
<i>RHOB</i>	-0.765	4.20E-03	<i>LPXN</i>	1.058	4.80E-03
<i>ZNF704</i>	-0.776	4.20E-03	<i>CHLI</i>	0.638	4.80E-03
<i>TMEM143</i>	-0.800	4.20E-03	<i>GATC</i>	-0.470	4.80E-03
<i>SEMA4F</i>	-0.869	4.20E-03	<i>HFE2</i>	-0.530	4.80E-03
<i>TJP3</i>	-0.912	4.20E-03	<i>NT5C1A</i>	-0.540	4.80E-03
<i>SEPT5</i>	-0.968	4.20E-03	<i>LETMI</i>	-0.568	4.80E-03
<i>ARHGAP25</i>	1.919	4.30E-03	<i>CENPH</i>	-0.577	4.80E-03
<i>APOC1</i>	1.182	4.30E-03	<i>SURF2</i>	-0.580	4.80E-03
<i>HOXC9</i>	-0.631	4.30E-03	<i>CCR1</i>	1.138	4.90E-03
<i>LCN12</i>	-0.700	4.30E-03	<i>HTRA4</i>	0.597	4.90E-03
<i>THNSL2</i>	-0.707	4.30E-03	<i>PNPLA1</i>	-0.490	4.90E-03
<i>BNIP3</i>	-0.716	4.30E-03	<i>C17orf100</i>	-0.510	4.90E-03
<i>ARHGAP32</i>	-0.771	4.30E-03	<i>MTMR12</i>	-0.520	4.90E-03
<i>LOC93622</i>	-0.783	4.30E-03	<i>HPDL</i>	-0.550	4.90E-03
<i>ATAT1</i>	-0.797	4.30E-03	<i>FOXK2</i>	-0.558	4.90E-03
<i>OSCP1</i>	-0.871	4.30E-03	<i>NUDT16L1</i>	-0.567	4.90E-03
<i>CPVL</i>	1.560	4.40E-03	<i>DOCK10</i>	1.033	5.00E-03
<i>TDO2</i>	1.047	4.40E-03	<i>EPDR1</i>	0.703	5.00E-03
<i>ARMC4</i>	-0.652	4.40E-03	<i>PPARG</i>	0.610	5.00E-03
<i>NBPF3</i>	-0.732	4.40E-03	<i>UBE2U</i>	-0.403	5.00E-03
<i>NMNAT3</i>	-0.774	4.40E-03	<i>NEDD4L</i>	-0.518	5.00E-03
<i>PPP1R36</i>	-0.881	4.40E-03	<i>C3orf67</i>	-0.537	5.00E-03
<i>FPR3</i>	1.936	4.50E-03	<i>NMNAT3</i>	-0.550	5.00E-03
<i>CD3D</i>	1.892	4.50E-03	<i>ZNF687</i>	-0.557	5.00E-03
<i>ZNF740</i>	-0.688	4.50E-03	<i>RUVBL2</i>	-0.683	5.00E-03
<i>MGC16275</i>	-0.688	4.50E-03	<i>DOCK2</i>	1.105	5.10E-03
<i>SIX2</i>	-0.690	4.50E-03	<i>EVI2A</i>	1.090	5.10E-03
<i>DACH2</i>	-0.700	4.50E-03	<i>SGK1</i>	0.905	5.10E-03
<i>PPP2R5A</i>	-0.711	4.50E-03	<i>P2RY14</i>	0.803	5.10E-03
<i>LMAN2L</i>	-0.745	4.50E-03	<i>BTBD11</i>	0.363	5.10E-03
<i>PIAS3</i>	-0.752	4.50E-03	<i>HIST1H3F</i>	-0.485	5.10E-03
<i>BMPRI1B</i>	-0.753	4.50E-03	<i>NUBP2</i>	-0.575	5.10E-03
<i>ULK2</i>	-0.767	4.50E-03	<i>SYCE3</i>	-0.583	5.10E-03
<i>PHLPP1</i>	-0.771	4.50E-03	<i>HLA-DPA1</i>	1.100	5.20E-03
<i>DAK</i>	-0.783	4.50E-03	<i>PTPRE</i>	1.053	5.20E-03
<i>C20orf132</i>	-0.788	4.50E-03	<i>RARRES2</i>	0.945	5.20E-03
<i>FAM83H</i>	-0.867	4.50E-03	<i>ADRA2A</i>	0.780	5.20E-03
<i>ZBTB42</i>	-0.893	4.50E-03	<i>FAM105A</i>	0.725	5.20E-03
<i>TMEM68</i>	-1.007	4.50E-03	<i>EGFL6</i>	0.648	5.20E-03
<i>KIF9</i>	-1.018	4.50E-03	<i>LOC148709</i>	-0.513	5.20E-03
<i>GIMAP4</i>	1.956	4.60E-03	<i>MLF1</i>	-0.530	5.20E-03

<i>FLVCR2</i>	1.302	4.60E-03	<i>TCTEX1D2</i>	-0.537	5.20E-03
<i>LAG3</i>	1.301	4.60E-03	<i>FAF1</i>	-0.545	5.20E-03
<i>ADA</i>	1.219	4.60E-03	<i>PAM16</i>	-0.745	5.20E-03
<i>SLC39A8</i>	0.933	4.60E-03	<i>IRF8</i>	1.013	5.30E-03
<i>C5orf55</i>	-0.706	4.60E-03	<i>APBB1IP</i>	0.993	5.30E-03
<i>TBR1</i>	-0.724	4.60E-03	<i>AKR1B1</i>	0.850	5.30E-03
<i>NCKIPSD</i>	-0.745	4.60E-03	<i>FIGLA</i>	-0.477	5.30E-03
<i>ZG16B</i>	-0.749	4.60E-03	<i>LOC728819</i>	-0.503	5.30E-03
<i>CTBP2</i>	-0.757	4.60E-03	<i>ST3GAL4</i>	-0.513	5.30E-03
<i>UNC119B</i>	-0.762	4.60E-03	<i>GJA10</i>	-0.533	5.30E-03
<i>ABCC8</i>	-0.771	4.60E-03	<i>ATP6V0E2</i>	-0.553	5.30E-03
<i>ACAP3</i>	-0.795	4.60E-03	<i>ADIG</i>	-0.567	5.30E-03
<i>CCDC24</i>	-0.820	4.60E-03	<i>SCARF1</i>	0.813	5.40E-03
<i>CD48</i>	1.926	4.70E-03	<i>PRR5L</i>	0.643	5.40E-03
<i>GALM</i>	1.325	4.70E-03	<i>C17orf104</i>	-0.447	5.40E-03
<i>DHRS2</i>	-0.609	4.70E-03	<i>POLB</i>	-0.498	5.40E-03
<i>C22orf23</i>	-0.693	4.70E-03	<i>DTNB</i>	-0.535	5.40E-03
<i>ADAL</i>	-0.713	4.70E-03	<i>TARBP1</i>	-0.555	5.40E-03
<i>ZDHHC11</i>	-0.731	4.70E-03	<i>CHERP</i>	-0.570	5.40E-03
<i>FAM219B</i>	-0.762	4.70E-03	<i>IL33</i>	0.773	5.50E-03
<i>FBXL2</i>	-0.769	4.70E-03	<i>VWDE</i>	-0.487	5.50E-03
<i>ZNF768</i>	-0.779	4.70E-03	<i>PLCB4</i>	-0.490	5.50E-03
<i>C6orf170</i>	-0.782	4.70E-03	<i>ZNF678</i>	-0.527	5.50E-03
<i>ATP1A1OS</i>	-0.794	4.70E-03	<i>NAP1L4</i>	-0.553	5.50E-03
<i>EPB41L4A-AS1</i>	-0.810	4.70E-03	<i>COL6A3</i>	1.045	5.60E-03
<i>CTSS</i>	2.062	4.80E-03	<i>SLC7A7</i>	1.043	5.60E-03
<i>TRIM69</i>	1.245	4.80E-03	<i>LUM</i>	1.035	5.60E-03
<i>TOX2</i>	0.843	4.80E-03	<i>TMEM213</i>	-0.417	5.60E-03
<i>USP9Y</i>	-0.554	4.80E-03	<i>ALMS1</i>	-0.578	5.60E-03
<i>SCGB2A1</i>	-0.610	4.80E-03	<i>SH2B3</i>	1.050	5.70E-03
<i>ULBP3</i>	-0.611	4.80E-03	<i>EMILIN2</i>	0.927	5.70E-03
<i>HEATR4</i>	-0.648	4.80E-03	<i>SRG7</i>	-0.433	5.70E-03
<i>CGNL1</i>	-0.708	4.80E-03	<i>ELL3</i>	-0.495	5.70E-03
<i>RGNEF</i>	-0.760	4.80E-03	<i>HIST1H2AB</i>	-0.500	5.70E-03
<i>DTX3L</i>	1.987	4.90E-03	<i>CCDC11</i>	-0.517	5.70E-03
<i>HLA-DMB</i>	1.913	4.90E-03	<i>NCAPG</i>	-0.580	5.70E-03
<i>CIQC</i>	1.811	4.90E-03	<i>MPP1</i>	0.833	5.80E-03
<i>CCL2</i>	1.759	4.90E-03	<i>TXNDC5</i>	0.770	5.80E-03
<i>BATF2</i>	1.661	4.90E-03	<i>LPL</i>	0.633	5.80E-03
<i>LOC643733</i>	1.330	4.90E-03	<i>CLEC4C</i>	0.387	5.80E-03
<i>L3MBTL4</i>	0.534	4.90E-03	<i>KATNAL2</i>	-0.480	5.80E-03
<i>ZNF16</i>	-0.696	4.90E-03	<i>CHRM3</i>	-0.483	5.80E-03
<i>DOK7</i>	-0.717	4.90E-03	<i>CHTOP</i>	-0.545	5.80E-03
<i>FEM1A</i>	-0.755	4.90E-03	<i>PLAC8L1</i>	-0.563	5.80E-03
<i>CXXC11</i>	-0.789	4.90E-03	<i>ITGB3BP</i>	-0.575	5.80E-03
<i>LOC100271722</i>	-0.987	4.90E-03	<i>BLM</i>	-0.580	5.80E-03
<i>TAP1</i>	2.020	5.00E-03	<i>IGJ</i>	0.755	5.90E-03
<i>TNFAIP3</i>	1.975	5.00E-03	<i>HOPX</i>	0.598	5.90E-03
<i>PIM2</i>	1.475	5.00E-03	<i>COX7B2</i>	0.190	5.90E-03
<i>LOC439949</i>	1.169	5.00E-03	<i>TCP10L</i>	-0.490	5.90E-03
<i>GPRIN3</i>	0.835	5.00E-03	<i>C1orf204</i>	-0.513	5.90E-03

<i>UBE2U</i>	-0.542	5.00E-03	<i>PDZD4</i>	-0.563	5.90E-03
<i>GPC4</i>	-0.601	5.00E-03	<i>DPYD</i>	1.120	6.00E-03
<i>TAS2R5</i>	-0.660	5.00E-03	<i>TSHZ3</i>	1.007	6.00E-03
<i>C17orf58</i>	-0.741	5.00E-03	<i>AOC3</i>	0.875	6.00E-03
<i>EPB41L1</i>	-0.754	5.00E-03	<i>SLC47A1</i>	0.408	6.00E-03
<i>PDPK1</i>	-0.760	5.00E-03	<i>CAMKMT</i>	-0.490	6.00E-03
<i>PCGF2</i>	-0.786	5.00E-03	<i>TMEM161A</i>	-0.575	6.00E-03
<i>SYCE3</i>	-0.876	5.00E-03	<i>MIS18A</i>	-0.575	6.00E-03
<i>HLA-DRA</i>	1.930	5.10E-03	<i>CRISPLD2</i>	1.005	6.10E-03
<i>BTLA</i>	1.457	5.10E-03	<i>CYSLTR1</i>	0.870	6.10E-03
<i>POU2AF1</i>	1.423	5.10E-03	<i>SMOC2</i>	0.683	6.10E-03
<i>CLECL1</i>	1.207	5.10E-03	<i>LOC96610</i>	0.650	6.10E-03
<i>PALD1</i>	0.851	5.10E-03	<i>HIST1H2AM</i>	-0.495	6.10E-03
<i>IGLL1</i>	0.572	5.10E-03	<i>PHF16</i>	-0.515	6.10E-03
<i>RPL27A</i>	-0.670	5.10E-03	<i>MST1P9</i>	-0.525	6.10E-03
<i>PMS2P1</i>	-0.688	5.10E-03	<i>TMEM52</i>	-0.537	6.10E-03
<i>C3orf67</i>	-0.738	5.10E-03	<i>LAPTM5</i>	1.155	6.20E-03
<i>WDR78</i>	-0.768	5.10E-03	<i>SLCO2B1</i>	1.080	6.20E-03
<i>GNA11</i>	-0.774	5.10E-03	<i>ELTD1</i>	0.993	6.20E-03
<i>MARCH4</i>	-0.779	5.10E-03	<i>CHRDL1</i>	0.765	6.20E-03
<i>ATF7</i>	-0.866	5.10E-03	<i>PTGS1</i>	0.743	6.20E-03
<i>C5orf20</i>	1.314	5.20E-03	<i>SLC35F3</i>	-0.417	6.20E-03
<i>TXNDC5</i>	1.291	5.20E-03	<i>ZDHHC23</i>	-0.507	6.20E-03
<i>MMP12</i>	1.136	5.20E-03	<i>GDEP</i>	-0.510	6.20E-03
<i>LOC284801</i>	-0.554	5.20E-03	<i>TIAL1</i>	-0.523	6.20E-03
<i>C1orf51</i>	-0.627	5.20E-03	<i>RHPN1-AS1</i>	-0.543	6.20E-03
<i>FBXO36</i>	-0.671	5.20E-03	<i>PPM1E</i>	-0.545	6.20E-03
<i>EFR3B</i>	-0.674	5.20E-03	<i>LILRB2</i>	1.088	6.30E-03
<i>LGALS2</i>	1.379	5.30E-03	<i>ANTXR2</i>	1.087	6.30E-03
<i>PIWIL4</i>	0.889	5.30E-03	<i>E2F5</i>	-0.520	6.30E-03
<i>CHST2</i>	0.819	5.30E-03	<i>LRFN4</i>	-0.550	6.30E-03
<i>GTSF1</i>	0.681	5.30E-03	<i>TMEM8B</i>	-0.570	6.30E-03
<i>ANO5</i>	-0.690	5.30E-03	<i>PRSS35</i>	-0.450	6.40E-03
<i>NSUN7</i>	-0.713	5.30E-03	<i>CNGA4</i>	-0.470	6.40E-03
<i>ENPP1</i>	-0.724	5.30E-03	<i>HILPDA</i>	-0.475	6.40E-03
<i>REEP1</i>	-0.771	5.30E-03	<i>ZNF643</i>	-0.515	6.40E-03
<i>PBX1</i>	-0.791	5.30E-03	<i>ZNF544</i>	-0.515	6.40E-03
<i>C1orf162</i>	1.855	5.40E-03	<i>LRRC73</i>	-0.533	6.40E-03
<i>HPSE</i>	1.295	5.40E-03	<i>TAF4</i>	-0.555	6.40E-03
<i>CCDC71L</i>	1.167	5.40E-03	<i>FAM181A</i>	-0.563	6.40E-03
<i>NFE2L3</i>	1.052	5.40E-03	<i>C7orf55</i>	-0.570	6.40E-03
<i>PPP1R14C</i>	0.808	5.40E-03	<i>NT5E</i>	0.888	6.50E-03
<i>IL12A</i>	0.435	5.40E-03	<i>LAYN</i>	0.887	6.50E-03
<i>CST1</i>	0.431	5.40E-03	<i>TMCC3</i>	0.660	6.50E-03
<i>TNNT1</i>	-0.660	5.40E-03	<i>IL31RA</i>	-0.490	6.50E-03
<i>SPAG17</i>	-0.661	5.40E-03	<i>CCSAP</i>	-0.493	6.50E-03
<i>SHPK</i>	-0.697	5.40E-03	<i>SOX4</i>	-0.513	6.50E-03
<i>LYPD6</i>	-0.707	5.40E-03	<i>RHEB</i>	-0.515	6.50E-03
<i>OTUD7B</i>	-0.734	5.40E-03	<i>LOC401588</i>	-0.517	6.50E-03
<i>RAI1</i>	-0.764	5.40E-03	<i>TM6SF1</i>	0.948	6.60E-03
<i>RIBC1</i>	-0.776	5.40E-03	<i>ITM2A</i>	0.830	6.60E-03

<i>RAB11FIP4</i>	-0.787	5.40E-03	<i>RAP2B</i>	0.610	6.60E-03
<i>GPR65</i>	1.882	5.50E-03	<i>HSD17B11</i>	1.078	6.70E-03
<i>C1QB</i>	1.837	5.50E-03	<i>CTSL1</i>	0.975	6.70E-03
<i>EOMES</i>	1.207	5.50E-03	<i>MILR1</i>	0.760	6.70E-03
<i>C3orf80</i>	0.476	5.50E-03	<i>RSPO3</i>	0.733	6.70E-03
<i>DCD</i>	-0.659	5.50E-03	<i>C18orf54</i>	-0.563	6.70E-03
<i>DLX1</i>	-0.674	5.50E-03	<i>SAMSN1</i>	1.020	6.80E-03
<i>PLD6</i>	-0.699	5.50E-03	<i>CFH</i>	0.973	6.80E-03
<i>CAMK2N1</i>	-0.706	5.50E-03	<i>TBXAS1</i>	0.958	6.80E-03
<i>C1QTNF4</i>	-0.752	5.50E-03	<i>SUPV3L1</i>	-0.540	6.80E-03
<i>TMEM101</i>	-0.771	5.50E-03	<i>AKAP1</i>	-0.563	6.80E-03
<i>PYROXD2</i>	-0.775	5.50E-03	<i>IGFBP6</i>	1.005	6.90E-03
<i>KCTD3</i>	-0.795	5.50E-03	<i>TFEC</i>	0.928	6.90E-03
<i>IL18R1</i>	1.314	5.60E-03	<i>GPX3</i>	0.805	6.90E-03
<i>C15orf48</i>	1.263	5.60E-03	<i>BBS5</i>	-0.437	6.90E-03
<i>RASGEF1A</i>	0.517	5.60E-03	<i>ARHGEF26</i>	-0.468	6.90E-03
<i>MYO1H</i>	-0.593	5.60E-03	<i>AS3MT</i>	-0.540	6.90E-03
<i>LOC284889</i>	-0.692	5.60E-03	<i>SRGN</i>	1.155	7.00E-03
<i>C20orf26</i>	-0.709	5.60E-03	<i>COL15A1</i>	0.923	7.00E-03
<i>FAM200B</i>	-0.766	5.60E-03	<i>LXN</i>	0.808	7.00E-03
<i>EARS2</i>	-0.775	5.60E-03	<i>WBP2NL</i>	-0.427	7.00E-03
<i>LOC646762</i>	-0.885	5.60E-03	<i>LINC00461</i>	-0.487	7.00E-03
<i>SH3KBP1</i>	1.377	5.70E-03	<i>INTS8</i>	-0.535	7.00E-03
<i>NCKAP5</i>	-0.621	5.70E-03	<i>CEP78</i>	-0.553	7.00E-03
<i>C11orf88</i>	-0.639	5.70E-03	<i>BRCA1</i>	-0.570	7.00E-03
<i>COPG2</i>	-0.669	5.70E-03	<i>KCNK5</i>	-0.445	7.10E-03
<i>CRCP</i>	-0.678	5.70E-03	<i>SUGT1P3</i>	-0.453	7.10E-03
<i>PDE8B</i>	-0.697	5.70E-03	<i>CABLES2</i>	-0.500	7.10E-03
<i>LNX1</i>	-0.736	5.70E-03	<i>COL3A1</i>	1.058	7.20E-03
<i>PIAS4</i>	-0.783	5.70E-03	<i>LOC441666</i>	-0.407	7.20E-03
<i>C1QA</i>	1.840	5.80E-03	<i>ZSWIM1</i>	-0.483	7.20E-03
<i>CLEC7A</i>	1.781	5.80E-03	<i>ZNF706</i>	-0.493	7.20E-03
<i>TIFAB</i>	1.654	5.80E-03	<i>ITGB2</i>	1.133	7.30E-03
<i>TMEM51</i>	1.100	5.80E-03	<i>DSE</i>	1.095	7.30E-03
<i>TNIP3</i>	0.912	5.80E-03	<i>FLII</i>	1.055	7.30E-03
<i>LIPG</i>	0.829	5.80E-03	<i>SDPR</i>	0.755	7.30E-03
<i>SYTL5</i>	-0.551	5.80E-03	<i>CECR7</i>	-0.463	7.30E-03
<i>SYBU</i>	-0.680	5.80E-03	<i>ATP8B5P</i>	-0.473	7.30E-03
<i>PPIP5K1</i>	-0.696	5.80E-03	<i>LRRC1</i>	-0.498	7.30E-03
<i>ZMYND12</i>	-0.747	5.80E-03	<i>TMEM67</i>	-0.547	7.30E-03
<i>C17orf108</i>	-0.794	5.80E-03	<i>DIEXF</i>	-0.548	7.30E-03
<i>ADCY6</i>	-0.795	5.80E-03	<i>HRAS</i>	-0.575	7.30E-03
<i>CD300LF</i>	1.781	5.90E-03	<i>PDGFRA</i>	1.020	7.40E-03
<i>THEMIS</i>	1.553	5.90E-03	<i>KLHL6</i>	0.920	7.40E-03
<i>CCL18</i>	1.474	5.90E-03	<i>OLR1</i>	0.670	7.40E-03
<i>CMTM8</i>	-0.661	5.90E-03	<i>ID3</i>	0.613	7.40E-03
<i>WBSCR27</i>	-0.728	5.90E-03	<i>MEOX1</i>	0.543	7.40E-03
<i>FAM53A</i>	-0.740	5.90E-03	<i>C1orf56</i>	-0.468	7.40E-03
<i>HERC5</i>	1.601	6.00E-03	<i>C1S</i>	1.110	7.50E-03
<i>P2RY14</i>	1.253	6.00E-03	<i>HLA-DPBI</i>	0.983	7.50E-03
<i>MMP1</i>	1.094	6.00E-03	<i>VCAN</i>	0.950	7.50E-03

<i>NUAK2</i>	0.954	6.00E-03	<i>POSTN</i>	0.925	7.50E-03
<i>ST6GALNAC5</i>	0.946	6.00E-03	<i>ZNF423</i>	0.753	7.50E-03
<i>GRIK4</i>	-0.631	6.00E-03	<i>PCED1B</i>	0.723	7.50E-03
<i>IRX5</i>	-0.642	6.00E-03	<i>MMD</i>	0.690	7.50E-03
<i>PRKAA2</i>	-0.701	6.00E-03	<i>PDLIM1</i>	0.673	7.50E-03
<i>IQCH</i>	-0.710	6.00E-03	<i>HIST1H3B</i>	-0.493	7.50E-03
<i>RIMS1</i>	-0.730	6.00E-03	<i>FRAT2</i>	-0.525	7.50E-03
<i>SUDS3</i>	-0.761	6.00E-03	<i>ARHGAP15</i>	1.005	7.60E-03
<i>EPN3</i>	-0.761	6.00E-03	<i>FCGR3B</i>	0.773	7.60E-03
<i>ST6GAL1</i>	1.190	6.10E-03	<i>FLT1</i>	0.720	7.60E-03
<i>COL22A1</i>	0.884	6.10E-03	<i>PIP4K2A</i>	0.708	7.60E-03
<i>DISP1</i>	-0.690	6.10E-03	<i>PPAPDC1A</i>	0.663	7.60E-03
<i>ENPP5</i>	-0.715	6.10E-03	<i>TNFSF4</i>	0.655	7.60E-03
<i>GPR98</i>	-0.741	6.10E-03	<i>ANGPT2</i>	0.535	7.60E-03
<i>XAF1</i>	1.893	6.20E-03	<i>UMODL1</i>	-0.420	7.60E-03
<i>LPXN</i>	1.821	6.20E-03	<i>FAM81A</i>	-0.467	7.60E-03
<i>RSAD2</i>	1.763	6.20E-03	<i>QRICH2</i>	-0.480	7.60E-03
<i>CAPZA3</i>	-0.515	6.20E-03	<i>RAVER2</i>	-0.493	7.60E-03
<i>ADAM32</i>	-0.620	6.20E-03	<i>PPOX</i>	-0.558	7.60E-03
<i>MGC2752</i>	-0.695	6.20E-03	<i>CFD</i>	0.850	7.70E-03
<i>FDXR</i>	-0.724	6.20E-03	<i>NLRC3</i>	0.797	7.70E-03
<i>BCDIN3D</i>	-0.726	6.20E-03	<i>RGCC</i>	0.655	7.70E-03
<i>SPDEF</i>	-0.808	6.20E-03	<i>CASZ1</i>	-0.545	7.70E-03
<i>FGL2</i>	1.878	6.30E-03	<i>IFFO1</i>	1.028	7.80E-03
<i>WARS</i>	1.844	6.30E-03	<i>VGLL3</i>	0.953	7.80E-03
<i>IL4I1</i>	1.779	6.30E-03	<i>MFAP5</i>	0.870	7.80E-03
<i>ALOX5</i>	1.773	6.30E-03	<i>SOX7</i>	0.507	7.80E-03
<i>TCF7</i>	1.074	6.30E-03	<i>RNF32</i>	-0.438	7.80E-03
<i>ATP1B4</i>	-0.612	6.30E-03	<i>KAZN</i>	-0.488	7.80E-03
<i>ABHD1</i>	-0.725	6.30E-03	<i>TRPS1</i>	-0.495	7.80E-03
<i>PROM2</i>	-0.752	6.30E-03	<i>RIBC2</i>	-0.513	7.80E-03
<i>TRAT1</i>	1.610	6.40E-03	<i>ATG4D</i>	-0.557	7.80E-03
<i>P2RX5</i>	1.073	6.40E-03	<i>KRBA1</i>	-0.573	7.80E-03
<i>KLRC3</i>	0.571	6.40E-03	<i>DCN</i>	1.195	7.90E-03
<i>C16orf55</i>	-0.720	6.40E-03	<i>SUCNR1</i>	0.593	7.90E-03
<i>ZNF20</i>	-0.743	6.40E-03	<i>HIST3H3</i>	-0.448	7.90E-03
<i>SEMA4D</i>	1.543	6.50E-03	<i>MCF2L-AS1</i>	-0.505	7.90E-03
<i>PCDHB13</i>	-0.546	6.50E-03	<i>DLEU1</i>	-0.543	7.90E-03
<i>ZNF77</i>	-0.649	6.50E-03	<i>MKS1</i>	-0.553	7.90E-03
<i>SLC25A27</i>	-0.779	6.50E-03	<i>SIGLEC1</i>	1.063	8.00E-03
<i>CSAD</i>	-0.796	6.50E-03	<i>ARHGAP25</i>	1.048	8.00E-03
<i>AS3MT</i>	-0.959	6.50E-03	<i>TCF4</i>	0.978	8.00E-03
<i>CD2</i>	1.920	6.60E-03	<i>CMTM3</i>	0.970	8.00E-03
<i>COL6A6</i>	0.783	6.60E-03	<i>GAS1</i>	0.888	8.00E-03
<i>CHRM3</i>	-0.634	6.60E-03	<i>HLA-DRB6</i>	0.795	8.00E-03
<i>RFESD</i>	-0.712	6.60E-03	<i>CRTAM</i>	0.770	8.00E-03
<i>WHSC2</i>	-0.778	6.60E-03	<i>TRMT12</i>	-0.490	8.00E-03
<i>TRIM22</i>	2.018	6.70E-03	<i>PTPRC</i>	1.118	8.10E-03
<i>HLA-DPA1</i>	1.858	6.70E-03	<i>OLFML3</i>	1.033	8.10E-03
<i>CD96</i>	1.696	6.70E-03	<i>HAVCR2</i>	1.007	8.10E-03
<i>NR1H3</i>	1.271	6.70E-03	<i>SLC9A9</i>	0.940	8.10E-03

<i>BCL11B</i>	1.155	6.70E-03	<i>RHOXF1</i>	-0.463	8.10E-03
<i>TRABD2A</i>	0.834	6.70E-03	<i>CEP41</i>	-0.540	8.10E-03
<i>HIST3H3</i>	-0.618	6.70E-03	<i>CTSC</i>	0.948	8.20E-03
<i>FLJ33630</i>	-0.678	6.70E-03	<i>ANK2</i>	0.858	8.20E-03
<i>PTGR2</i>	-0.744	6.70E-03	<i>CCDC69</i>	0.790	8.20E-03
<i>NRBP2</i>	-0.764	6.70E-03	<i>RBP4</i>	0.468	8.20E-03
<i>DHRS4-AS1</i>	-0.782	6.70E-03	<i>STPG1</i>	-0.410	8.20E-03
<i>ULK1</i>	-0.801	6.70E-03	<i>POLH</i>	-0.470	8.20E-03
<i>EMILIN2</i>	1.581	6.80E-03	<i>FCER1G</i>	1.100	8.30E-03
<i>SYK</i>	1.465	6.80E-03	<i>G0S2</i>	0.730	8.30E-03
<i>SLC2A5</i>	1.043	6.80E-03	<i>APOC1</i>	0.653	8.30E-03
<i>P2RY1</i>	-0.591	6.80E-03	<i>TIGD4</i>	-0.493	8.30E-03
<i>ZNF555</i>	-0.656	6.80E-03	<i>SEC14L5</i>	-0.500	8.30E-03
<i>EEF1A2</i>	-0.699	6.80E-03	<i>MAP7</i>	-0.510	8.30E-03
<i>GIMAP6</i>	1.719	6.90E-03	<i>GTDC2</i>	-0.513	8.30E-03
<i>RCSA1</i>	1.645	6.90E-03	<i>ARL8A</i>	-0.517	8.30E-03
<i>CLIC2</i>	1.607	6.90E-03	<i>FYN</i>	0.915	8.40E-03
<i>GPR155</i>	1.460	6.90E-03	<i>PPAP2B</i>	0.883	8.40E-03
<i>FKBP11</i>	1.190	6.90E-03	<i>MANIC1</i>	0.853	8.40E-03
<i>SLITRK4</i>	-0.539	6.90E-03	<i>FOXO1</i>	0.845	8.40E-03
<i>CYP4X1</i>	-0.633	6.90E-03	<i>DACT1</i>	0.715	8.40E-03
<i>STK16</i>	-0.672	6.90E-03	<i>PLAC8</i>	0.698	8.40E-03
<i>BCL7A</i>	-0.719	6.90E-03	<i>CXCR7</i>	0.633	8.40E-03
<i>ZNF609</i>	-0.779	6.90E-03	<i>MAEL</i>	0.257	8.40E-03
<i>CD274</i>	1.555	7.00E-03	<i>FSD1L</i>	-0.463	8.40E-03
<i>ATP6V1B1</i>	-0.633	7.00E-03	<i>BTBD6</i>	-0.483	8.40E-03
<i>PPP1R3C</i>	-0.737	7.00E-03	<i>SLC4A3</i>	-0.525	8.40E-03
<i>HOXC8</i>	-0.744	7.00E-03	<i>MMAB</i>	-0.530	8.40E-03
<i>CD8A</i>	1.762	7.10E-03	<i>SEPT7P2</i>	-0.540	8.40E-03
<i>STAT4</i>	1.705	7.10E-03	<i>ITGA4</i>	0.918	8.50E-03
<i>SELL</i>	1.680	7.10E-03	<i>GAL3ST4</i>	0.645	8.50E-03
<i>DAPP1</i>	1.582	7.10E-03	<i>XIST</i>	0.383	8.50E-03
<i>ARHGAP39</i>	-0.731	7.10E-03	<i>UTY</i>	-0.393	8.50E-03
<i>BTN3A2</i>	1.808	7.20E-03	<i>C6orf118</i>	-0.470	8.50E-03
<i>GAL3ST4</i>	0.977	7.20E-03	<i>DNMT3A</i>	-0.493	8.50E-03
<i>CRIL</i>	0.863	7.20E-03	<i>DAND5</i>	-0.517	8.50E-03
<i>BHLHE41</i>	0.826	7.20E-03	<i>NT5M</i>	-0.558	8.50E-03
<i>SPINK13</i>	-0.574	7.20E-03	<i>TLR7</i>	0.928	8.60E-03
<i>HIST1H1T</i>	-0.628	7.20E-03	<i>MMRN1</i>	0.598	8.60E-03
<i>CCDC11</i>	-0.688	7.20E-03	<i>TAS2R9</i>	-0.465	8.60E-03
<i>SSR4P1</i>	-0.689	7.20E-03	<i>RFESD</i>	-0.503	8.60E-03
<i>BAG3</i>	-0.744	7.20E-03	<i>MORN4</i>	-0.507	8.60E-03
<i>POLE</i>	-0.799	7.20E-03	<i>THNSL1</i>	-0.525	8.60E-03
<i>EVI2B</i>	1.928	7.30E-03	<i>SPON1</i>	0.893	8.70E-03
<i>TNFAIP8</i>	1.714	7.30E-03	<i>PDGFD</i>	0.780	8.70E-03
<i>MB21D1</i>	1.350	7.30E-03	<i>ERICH1</i>	0.503	8.70E-03
<i>MAB21L3</i>	-0.553	7.30E-03	<i>ULBP1</i>	-0.393	8.70E-03
<i>GPR111</i>	-0.603	7.30E-03	<i>DEPDC4</i>	-0.477	8.70E-03
<i>CAB39L</i>	-0.623	7.30E-03	<i>EPSTI1</i>	0.990	8.80E-03
<i>LEFTY1</i>	-0.630	7.30E-03	<i>ERG</i>	0.840	8.80E-03
<i>MAP3K12</i>	-0.761	7.30E-03	<i>CGREF1</i>	-0.473	8.80E-03

<i>GPR174</i>	0.937	7.40E-03	<i>C1orf87</i>	-0.490	8.80E-03
<i>HORMAD1</i>	0.398	7.40E-03	<i>BNIP3</i>	-0.493	8.80E-03
<i>TMEM63C</i>	-0.691	7.40E-03	<i>CDH24</i>	-0.523	8.80E-03
<i>LOH12CR2</i>	-0.723	7.40E-03	<i>GPR116</i>	0.863	8.90E-03
<i>DSTYK</i>	-0.734	7.40E-03	<i>CD1D</i>	0.670	8.90E-03
<i>TXNRD2</i>	-0.748	7.40E-03	<i>XG</i>	0.490	8.90E-03
<i>PHKA2</i>	-0.765	7.40E-03	<i>TBX15</i>	0.463	8.90E-03
<i>SNX10</i>	1.619	7.50E-03	<i>SAMHD1</i>	0.908	9.00E-03
<i>SLC22A3</i>	0.472	7.50E-03	<i>IL18</i>	0.653	9.00E-03
<i>SLC44A5</i>	-0.572	7.50E-03	<i>SPP1</i>	0.583	9.00E-03
<i>KATNAL2</i>	-0.616	7.50E-03	<i>FLVCR1-AS1</i>	-0.430	9.00E-03
<i>ZACN</i>	-0.627	7.50E-03	<i>NOL10</i>	-0.518	9.00E-03
<i>PER2</i>	-0.699	7.50E-03	<i>HOOK2</i>	-0.525	9.00E-03
<i>IFI44L</i>	1.822	7.60E-03	<i>TMEM61</i>	-0.530	9.00E-03
<i>ITK</i>	1.694	7.60E-03	<i>PAQR6</i>	-0.533	9.00E-03
<i>CXorf21</i>	1.297	7.60E-03	<i>ZNF133</i>	-0.555	9.00E-03
<i>CXorf65</i>	1.272	7.60E-03	<i>TMUB1</i>	-0.573	9.00E-03
<i>CHST11</i>	1.213	7.60E-03	<i>LPAR6</i>	0.945	9.10E-03
<i>BBOX1</i>	0.722	7.60E-03	<i>RASSF5</i>	0.873	9.10E-03
<i>FAM227B</i>	-0.507	7.60E-03	<i>CTSZ</i>	0.833	9.10E-03
<i>FSIP2</i>	-0.599	7.60E-03	<i>RSPO2</i>	-0.397	9.10E-03
<i>SLAMF7</i>	1.718	7.70E-03	<i>PHF13</i>	-0.490	9.10E-03
<i>SCML4</i>	1.363	7.70E-03	<i>DLX6</i>	-0.503	9.10E-03
<i>EPHA7</i>	-0.658	7.70E-03	<i>GPSM1</i>	-0.553	9.10E-03
<i>PHF13</i>	-0.691	7.70E-03	<i>CLIC2</i>	0.878	9.20E-03
<i>AFF3</i>	-0.703	7.70E-03	<i>TMEM37</i>	0.763	9.20E-03
<i>INTU</i>	-0.714	7.70E-03	<i>CNKSR2</i>	-0.458	9.20E-03
<i>LATS1</i>	-0.716	7.70E-03	<i>SNORA74A</i>	-0.537	9.20E-03
<i>RRNAD1</i>	-0.778	7.70E-03	<i>FAP</i>	1.003	9.30E-03
<i>DOCK10</i>	1.715	7.80E-03	<i>LYZ</i>	0.850	9.30E-03
<i>BCL2A1</i>	1.699	7.80E-03	<i>KIAA0226L</i>	0.635	9.30E-03
<i>IFNG</i>	1.314	7.80E-03	<i>BHLHE41</i>	0.563	9.30E-03
<i>HIST1H2BA</i>	-0.475	7.80E-03	<i>HOMER2</i>	-0.400	9.30E-03
<i>ANXA9</i>	-0.696	7.80E-03	<i>SIPA1L3</i>	-0.465	9.30E-03
<i>FBXO15</i>	-0.728	7.80E-03	<i>DLG3</i>	-0.498	9.30E-03
<i>SLC19A2</i>	-0.738	7.80E-03	<i>SETDB1</i>	-0.543	9.30E-03
<i>ZFYVE21</i>	-0.745	7.80E-03	<i>SEBOX</i>	-0.563	9.30E-03
<i>BRF1</i>	-0.803	7.80E-03	<i>CTSB</i>	1.150	9.40E-03
<i>IFI16</i>	1.933	7.90E-03	<i>CD86</i>	1.068	9.40E-03
<i>FYB</i>	1.910	7.90E-03	<i>PIK3AP1</i>	0.883	9.40E-03
<i>LAT2</i>	1.716	7.90E-03	<i>NEFH</i>	0.338	9.40E-03
<i>PCDH20</i>	-0.574	7.90E-03	<i>MGC16275</i>	-0.417	9.40E-03
<i>TTC28-AS1</i>	-0.648	7.90E-03	<i>DACH2</i>	-0.463	9.40E-03
<i>MAPKBP1</i>	-0.752	7.90E-03	<i>HIST1H1E</i>	-0.468	9.40E-03
<i>HLA-DMA</i>	1.852	8.00E-03	<i>MARCH1</i>	0.930	9.50E-03
<i>IFI27</i>	1.605	8.00E-03	<i>APOE</i>	0.813	9.50E-03
<i>IGFLR1</i>	1.563	8.00E-03	<i>LOC643733</i>	0.690	9.50E-03
<i>EAF2</i>	1.214	8.00E-03	<i>CST1</i>	0.273	9.50E-03
<i>FAM105B</i>	1.028	8.00E-03	<i>TMPRSS12</i>	-0.470	9.50E-03
<i>SLC17A8</i>	-0.600	8.00E-03	<i>C19orf52</i>	-0.517	9.50E-03
<i>H19</i>	-0.604	8.00E-03	<i>TNFRSF1B</i>	1.050	9.60E-03

<i>SYCP3</i>	-0.610	8.00E-03	<i>HLA-DRA</i>	1.003	9.60E-03
<i>IQCF5</i>	-0.692	8.00E-03	<i>P2RY13</i>	0.968	9.60E-03
<i>BTBD17</i>	-0.722	8.00E-03	<i>STAT4</i>	0.915	9.60E-03
<i>DCTN2</i>	-0.741	8.00E-03	<i>ERAP2</i>	0.573	9.60E-03
<i>IL10RA</i>	1.942	8.10E-03	<i>LAMP5</i>	0.465	9.60E-03
<i>ARHGAP9</i>	1.884	8.10E-03	<i>ZNF607</i>	-0.490	9.60E-03
<i>PAQR9</i>	-0.609	8.10E-03	<i>GPANK1</i>	-0.490	9.60E-03
<i>CLVS1</i>	-0.674	8.10E-03	<i>TSTD1</i>	-0.510	9.60E-03
<i>PHYHD1</i>	-0.693	8.10E-03	<i>NEIL3</i>	-0.555	9.60E-03
<i>GSTCD</i>	-0.734	8.10E-03	<i>EZH2</i>	-0.570	9.60E-03
<i>ANKRD23</i>	-0.747	8.10E-03	<i>LINC00476</i>	-0.447	9.70E-03
<i>PLCD3</i>	-0.755	8.10E-03	<i>C6orf136</i>	-0.540	9.70E-03
<i>PAG1</i>	1.312	8.20E-03	<i>NUDT14</i>	-0.543	9.70E-03
<i>PLBD1</i>	1.131	8.20E-03	<i>BTK</i>	0.980	9.80E-03
<i>PSTPIP2</i>	0.947	8.20E-03	<i>C1orf54</i>	0.873	9.80E-03
<i>KCNN2</i>	-0.566	8.20E-03	<i>SNX18</i>	0.467	9.80E-03
<i>C4orf47</i>	-0.645	8.20E-03	<i>TBC1D22B</i>	-0.463	9.80E-03
<i>HCN2</i>	-0.761	8.20E-03	<i>LOC100129794</i>	-0.480	9.80E-03
<i>PAM16</i>	-0.789	8.20E-03	<i>DPH2</i>	-0.565	9.80E-03
<i>AOAH</i>	1.725	8.30E-03	<i>C5AR1</i>	0.923	9.90E-03
<i>NAPSB</i>	1.659	8.30E-03	<i>HLA-DQB1</i>	0.868	9.90E-03
<i>HCG26</i>	1.449	8.30E-03	<i>MAP3K5</i>	0.833	9.90E-03
<i>MICB</i>	1.338	8.30E-03	<i>HTR2B</i>	0.585	9.90E-03
<i>TEX14</i>	-0.605	8.30E-03	<i>KCTD1</i>	-0.427	9.90E-03
<i>FAM59A</i>	-0.656	8.30E-03	<i>CCDC147</i>	-0.487	9.90E-03
<i>C6orf226</i>	-0.748	8.30E-03	<i>POLR3H</i>	-0.557	9.90E-03
<i>PTCHD2</i>	-0.784	8.30E-03	<i>IGSF6</i>	0.960	1.00E-02
<i>HLA-F</i>	1.985	8.40E-03	<i>GTSF1</i>	0.387	1.00E-02
<i>IFIT3</i>	1.910	8.40E-03	<i>LRRC8E</i>	-0.485	1.00E-02
<i>NCF2</i>	1.882	8.40E-03	<i>DHRS9</i>	0.753	1.01E-02
<i>MERTK</i>	0.768	8.40E-03	<i>CXorf59</i>	-0.500	1.01E-02
<i>CXCL5</i>	0.717	8.40E-03	<i>BDH1</i>	-0.523	1.01E-02
<i>C1orf150</i>	-0.499	8.40E-03	<i>CCDC58</i>	-0.533	1.01E-02
<i>CCDC7</i>	-0.562	8.40E-03	<i>LPAR1</i>	0.840	1.02E-02
<i>FAM149A</i>	-0.605	8.40E-03	<i>CA8</i>	-0.390	1.02E-02
<i>METTLL2</i>	-0.652	8.40E-03	<i>GPRIN2</i>	-0.493	1.02E-02
<i>GREB1</i>	-0.657	8.40E-03	<i>TCEA3</i>	-0.503	1.02E-02
<i>STK32C</i>	-0.729	8.40E-03	<i>CLEC4A</i>	0.983	1.03E-02
<i>PPM1E</i>	-0.729	8.40E-03	<i>TEX26</i>	-0.433	1.03E-02
<i>VIPR1</i>	-0.752	8.40E-03	<i>SERTAD4-AS1</i>	-0.450	1.03E-02
<i>ATXN2</i>	-0.756	8.40E-03	<i>ESYT3</i>	-0.490	1.03E-02
<i>ARHGEF37</i>	-0.758	8.40E-03	<i>ZNF398</i>	-0.497	1.03E-02
<i>C8orf82</i>	-0.780	8.40E-03	<i>NID2</i>	0.863	1.04E-02
<i>PLK5</i>	-0.804	8.40E-03	<i>SLC16A7</i>	0.610	1.04E-02
<i>UBE2L6</i>	1.910	8.50E-03	<i>LOC283481</i>	-0.480	1.04E-02
<i>PPP2R2D</i>	-0.594	8.50E-03	<i>ZNRF3</i>	-0.500	1.04E-02
<i>MFAP3L</i>	-0.598	8.50E-03	<i>OTUB1</i>	-0.568	1.04E-02
<i>ICA1L</i>	-0.670	8.50E-03	<i>EXO1</i>	-0.575	1.04E-02
<i>ADAMTS13</i>	-0.799	8.50E-03	<i>SYNE1</i>	0.935	1.05E-02
<i>LAPTM5</i>	1.948	8.60E-03	<i>KIAA1462</i>	0.843	1.05E-02
<i>CCR2</i>	1.804	8.60E-03	<i>LMO4</i>	-0.395	1.05E-02

<i>ITGA4</i>	1.582	8.60E-03	<i>SPAG17</i>	-0.447	1.05E-02
<i>COL4A4</i>	0.899	8.60E-03	<i>CYP39A1</i>	-0.450	1.05E-02
<i>AGPHD1</i>	-0.636	8.60E-03	<i>HSF2BP</i>	-0.470	1.05E-02
<i>IQCF1</i>	-0.662	8.60E-03	<i>VAR52</i>	-0.533	1.05E-02
<i>IQCK</i>	-0.682	8.60E-03	<i>LDB2</i>	0.910	1.06E-02
<i>SMAD9</i>	-0.688	8.60E-03	<i>RGS18</i>	0.810	1.06E-02
<i>PPP2R2C</i>	-0.711	8.60E-03	<i>BCAT1</i>	0.653	1.06E-02
<i>DOCK2</i>	1.791	8.70E-03	<i>HOXA9</i>	0.225	1.06E-02
<i>TAP2</i>	1.652	8.70E-03	<i>ZBTB3</i>	-0.457	1.06E-02
<i>GPR171</i>	1.567	8.70E-03	<i>FAM71F1</i>	-0.510	1.06E-02
<i>APOBEC3F</i>	0.890	8.70E-03	<i>ZDHHC16</i>	-0.530	1.06E-02
<i>KLRC4</i>	0.505	8.70E-03	<i>ABI3BP</i>	0.850	1.07E-02
<i>CDC14C</i>	-0.482	8.70E-03	<i>PARP8</i>	0.805	1.07E-02
<i>DNAL1I</i>	-0.643	8.70E-03	<i>SLC2A5</i>	0.615	1.07E-02
<i>IGSF22</i>	-0.670	8.70E-03	<i>KLHDC10</i>	-0.440	1.07E-02
<i>NME5</i>	-0.704	8.70E-03	<i>NOXRED1</i>	-0.447	1.07E-02
<i>ZNF19</i>	-0.715	8.70E-03	<i>FLJ30679</i>	-0.490	1.07E-02
<i>RNASE6</i>	1.738	8.80E-03	<i>ABCB9</i>	-0.533	1.07E-02
<i>MX2</i>	1.686	8.80E-03	<i>CXXC11</i>	-0.557	1.07E-02
<i>FCGR2B</i>	1.540	8.80E-03	<i>HEG1</i>	1.030	1.08E-02
<i>STAP1</i>	1.288	8.80E-03	<i>PDK4</i>	0.740	1.08E-02
<i>TBL1X</i>	-0.616	8.80E-03	<i>RALBP1</i>	-0.430	1.08E-02
<i>CLGN</i>	-0.623	8.80E-03	<i>UNC80</i>	-0.490	1.08E-02
<i>ICAI</i>	-0.631	8.80E-03	<i>LOC388796</i>	-0.513	1.08E-02
<i>CCDC125</i>	-0.655	8.80E-03	<i>BZW2</i>	-0.528	1.08E-02
<i>LOC728485</i>	-0.763	8.80E-03	<i>EPAS1</i>	0.990	1.09E-02
<i>CELF2</i>	1.451	8.90E-03	<i>ST8SIA4</i>	0.840	1.09E-02
<i>RABGAP1L</i>	1.446	8.90E-03	<i>ZSWIM2</i>	-0.430	1.09E-02
<i>CD163L1</i>	0.562	8.90E-03	<i>TMEM74</i>	-0.457	1.09E-02
<i>LAMA1</i>	0.472	8.90E-03	<i>SLC6A8</i>	-0.508	1.09E-02
<i>C10orf113</i>	0.254	8.90E-03	<i>DPT</i>	0.988	1.10E-02
<i>UGT1A6</i>	-0.599	8.90E-03	<i>PEAR1</i>	0.763	1.10E-02
<i>SCGB1D2</i>	-0.618	8.90E-03	<i>SEL1L3</i>	0.645	1.10E-02
<i>RTTN</i>	-0.711	8.90E-03	<i>FREMI</i>	0.460	1.10E-02
<i>TLR1</i>	1.791	9.00E-03	<i>TAS2R8</i>	-0.493	1.10E-02
<i>ADRB2</i>	0.827	9.00E-03	<i>ZMYND12</i>	-0.510	1.10E-02
<i>IL20RA</i>	-0.634	9.00E-03	<i>DSTYK</i>	-0.515	1.10E-02
<i>KIAA0319</i>	-0.635	9.00E-03	<i>TAF2</i>	-0.565	1.10E-02
<i>CCDC30</i>	-0.661	9.00E-03	<i>CCDC80</i>	1.070	1.11E-02
<i>CNKSR1</i>	-0.681	9.00E-03	<i>C3</i>	0.883	1.11E-02
<i>TMEM54</i>	-0.712	9.00E-03	<i>LIMA1</i>	0.860	1.11E-02
<i>UPP2</i>	-0.721	9.00E-03	<i>EHD4</i>	0.850	1.11E-02
<i>ELMO3</i>	-0.732	9.00E-03	<i>FLJ40852</i>	-0.453	1.11E-02
<i>LETM1</i>	-0.755	9.00E-03	<i>TCHP</i>	-0.483	1.11E-02
<i>LAP3</i>	1.875	9.10E-03	<i>LONRF2</i>	-0.503	1.11E-02
<i>HLA-DPBI</i>	1.632	9.10E-03	<i>FANCF</i>	-0.528	1.11E-02
<i>RUNX3</i>	1.489	9.10E-03	<i>IFI16</i>	1.078	1.12E-02
<i>TMEM176B</i>	1.185	9.10E-03	<i>FTL</i>	0.948	1.12E-02
<i>FAM105A</i>	0.940	9.10E-03	<i>BEND7</i>	-0.437	1.12E-02
<i>PPIL6</i>	-0.570	9.10E-03	<i>FAM84B</i>	-0.450	1.12E-02
<i>YBEY</i>	-0.650	9.10E-03	<i>EBF1</i>	0.863	1.13E-02

ZNF76	-0.755	9.10E-03	FPR3	0.993	1.14E-02
EMR2	1.382	9.20E-03	ROR2	0.595	1.14E-02
GNG2	1.355	9.20E-03	LEP	0.510	1.14E-02
PNOC	1.058	9.20E-03	RBBP9	-0.425	1.14E-02
ZDHC15	-0.576	9.20E-03	ZNF252P-AS1	-0.507	1.14E-02
SERPINB11	-0.600	9.20E-03	C11orf49	-0.518	1.14E-02
PIEZO2	-0.618	9.20E-03	OLFML1	0.978	1.15E-02
SLC4A3	-0.711	9.20E-03	ALOX5AP	0.950	1.15E-02
HCLS1	1.853	9.30E-03	ADCY7	0.898	1.15E-02
SIGLEC10	1.624	9.30E-03	CXorf21	0.743	1.15E-02
GGTA1P	1.249	9.30E-03	NEK6	0.680	1.15E-02
CD226	1.128	9.30E-03	ZNF77	-0.430	1.15E-02
RSPH4A	-0.580	9.30E-03	GJA9	-0.475	1.15E-02
LOC728819	-0.618	9.30E-03	ANO8	-0.517	1.15E-02
TNNI3	-0.667	9.30E-03	POLG2	-0.538	1.15E-02
DTWD2	-0.690	9.30E-03	SPARCL1	0.938	1.16E-02
TIGD3	-0.730	9.30E-03	HSD11B1	0.640	1.16E-02
IFI44	1.870	9.40E-03	MMP3	0.485	1.16E-02
LACC1	1.351	9.40E-03	EYA3	-0.435	1.16E-02
ELMO1	1.057	9.40E-03	GRTP1	-0.470	1.16E-02
ALDH1A1	0.894	9.40E-03	PRUNE	-0.498	1.16E-02
CACNG1	-0.754	9.40E-03	SLC25A15	-0.520	1.16E-02
ARHGAP15	1.716	9.50E-03	TXNL4A	-0.543	1.16E-02
MS4A4A	1.663	9.50E-03	PUS7	-0.568	1.16E-02
SMAP2	1.382	9.50E-03	LBH	0.680	1.17E-02
LY75	1.346	9.50E-03	ADRBK2	0.578	1.17E-02
CCL13	1.345	9.50E-03	TRIM6	0.513	1.17E-02
COQ6	-0.657	9.50E-03	TRABD2A	0.483	1.17E-02
UBE2D4	-0.706	9.50E-03	RANBP17	-0.428	1.17E-02
LGMN	1.295	9.60E-03	CD14	1.040	1.18E-02
RGS1	1.207	9.60E-03	CCL8	0.723	1.18E-02
RASGRP3	1.191	9.60E-03	IQGAP2	0.628	1.18E-02
HOTAIR	-0.489	9.60E-03	FAM176C	0.420	1.18E-02
UTY	-0.512	9.60E-03	ELOVL4	-0.440	1.18E-02
VSIG10	-0.621	9.60E-03	PROKR2	-0.500	1.18E-02
PRF1	1.734	9.70E-03	NNMT	0.955	1.19E-02
RTP4	1.657	9.70E-03	SYT11	0.780	1.19E-02
ARL4C	1.090	9.70E-03	ITGBL1	0.763	1.19E-02
TMEM241	-0.586	9.70E-03	HOXB2	0.373	1.19E-02
LGR6	-0.591	9.70E-03	XPNPEP3	-0.425	1.19E-02
GREB1L	-0.698	9.70E-03	CYBB	1.030	1.20E-02
IKZF1	1.814	9.80E-03	ZNF490	-0.457	1.20E-02
SP140L	1.377	9.80E-03	BSPRY	-0.488	1.20E-02
FMNL2	1.131	9.80E-03	SPC25	-0.568	1.21E-02
GFI1	1.120	9.80E-03	SAPCD1	-0.580	1.21E-02
CASP8	1.118	9.80E-03	GPR183	0.870	1.22E-02
HLA-DQB2	1.044	9.80E-03	PCLO	-0.530	1.22E-02
ROBO1	0.997	9.80E-03	IL7R	0.895	1.23E-02
KCNRG	-0.529	9.80E-03	CYTIP	0.895	1.23E-02
ABHD12B	-0.530	9.80E-03	PROS1	0.878	1.23E-02
ARSG	-0.570	9.80E-03	ABCA6	0.843	1.23E-02

<i>ARHGEF5</i>	-0.607	9.80E-03	<i>CHSY3</i>	0.667	1.23E-02
<i>FNTB</i>	-0.639	9.80E-03	<i>KLC4</i>	-0.527	1.23E-02
<i>TMEM18</i>	-0.655	9.80E-03	<i>LSP1</i>	0.993	1.24E-02
<i>MYO5C</i>	-0.681	9.80E-03	<i>ADAM12</i>	0.925	1.24E-02
<i>TP53TG1</i>	-0.772	9.80E-03	<i>TOX2</i>	0.430	1.24E-02
<i>CYB5D2</i>	-0.780	9.80E-03	<i>C2orf15</i>	-0.453	1.24E-02
<i>OAS2</i>	1.794	9.90E-03	<i>B4GALT3</i>	-0.473	1.24E-02
<i>IL18BP</i>	1.581	9.90E-03	<i>FAM198B</i>	0.868	1.25E-02
<i>LOC285548</i>	-0.590	9.90E-03	<i>CD28</i>	0.793	1.25E-02
<i>RADIL</i>	-0.655	9.90E-03	<i>ALDH2</i>	0.793	1.25E-02
<i>CMTM4</i>	-0.661	9.90E-03	<i>TIE1</i>	0.658	1.25E-02
<i>C16orf92</i>	-0.733	9.90E-03	<i>MTMR7</i>	-0.403	1.25E-02
<i>PARP15</i>	1.164	1.00E-02	<i>REG1A</i>	-0.420	1.25E-02
<i>ST3GAL5</i>	0.995	1.00E-02	<i>NSUN4</i>	-0.440	1.25E-02
<i>DDX3Y</i>	-0.507	1.00E-02	<i>MLLT4-AS1</i>	-0.540	1.25E-02
<i>FAM84B</i>	-0.627	1.00E-02	<i>CDH5</i>	0.795	1.26E-02
<i>CD163</i>	1.740	1.01E-02	<i>VCAM1</i>	0.778	1.26E-02
<i>CXCR6</i>	1.710	1.01E-02	<i>ST6GAL1</i>	0.623	1.26E-02
<i>CECR1</i>	1.510	1.01E-02	<i>CAV1</i>	0.938	1.27E-02
<i>TRIM14</i>	1.244	1.01E-02	<i>EMR2</i>	0.780	1.27E-02
<i>DUSP2</i>	0.934	1.01E-02	<i>TDRD9</i>	0.213	1.27E-02
<i>TNFSF4</i>	0.879	1.01E-02	<i>SFT2D3</i>	-0.470	1.27E-02
<i>LRRK1</i>	0.879	1.01E-02	<i>KPTN</i>	-0.488	1.27E-02
<i>KLRF1</i>	0.695	1.01E-02	<i>SMG7</i>	-0.513	1.27E-02
<i>CLDN23</i>	0.634	1.01E-02	<i>CD4</i>	1.028	1.29E-02
<i>SLC35F3</i>	-0.512	1.01E-02	<i>CLEC12A</i>	0.663	1.29E-02
<i>ZNF34</i>	-0.628	1.01E-02	<i>PLIN2</i>	0.583	1.29E-02
<i>ANO10</i>	-0.655	1.01E-02	<i>UNC5CL</i>	-0.473	1.29E-02
<i>FHIT</i>	-0.661	1.01E-02	<i>HOXC11</i>	-0.488	1.29E-02
<i>TRAK1</i>	-0.693	1.01E-02	<i>SALL3</i>	-0.503	1.29E-02
<i>IFT43</i>	-0.745	1.01E-02	<i>C7orf53</i>	-0.513	1.29E-02
<i>MIRLET7BHG</i>	-0.750	1.01E-02	<i>ZNF653</i>	-0.517	1.29E-02
<i>SLA</i>	1.885	1.02E-02	<i>AXL</i>	1.013	1.30E-02
<i>SP140</i>	1.625	1.02E-02	<i>SYCP2</i>	-0.410	1.30E-02
<i>GIMAP8</i>	1.610	1.02E-02	<i>LINC00338</i>	-0.475	1.30E-02
<i>IRX3</i>	-0.587	1.02E-02	<i>FAM161A</i>	-0.553	1.30E-02
<i>ZBTB7C</i>	-0.618	1.02E-02	<i>PAFAH1B3</i>	-0.565	1.30E-02
<i>GPHN</i>	-0.665	1.02E-02	<i>LRMP</i>	0.848	1.31E-02
<i>SEPT6</i>	1.344	1.03E-02	<i>GM2A</i>	0.845	1.31E-02
<i>TMCC3</i>	0.851	1.03E-02	<i>GFPT2</i>	0.835	1.31E-02
<i>PRR5L</i>	0.749	1.03E-02	<i>JAM3</i>	0.770	1.31E-02
<i>FBXO16</i>	-0.599	1.03E-02	<i>CXCL14</i>	0.548	1.31E-02
<i>FAM120AOS</i>	-0.601	1.03E-02	<i>ELAVL2</i>	-0.495	1.31E-02
<i>SOX12</i>	-0.748	1.03E-02	<i>GPSM2</i>	-0.505	1.31E-02
<i>ITGAM</i>	1.796	1.04E-02	<i>MYL6B</i>	-0.543	1.31E-02
<i>GVINP1</i>	1.701	1.04E-02	<i>GIMAP5</i>	0.995	1.32E-02
<i>RAB27A</i>	1.447	1.04E-02	<i>CSF2RB</i>	0.905	1.32E-02
<i>SYNGAP1</i>	-0.773	1.04E-02	<i>CD200</i>	0.620	1.32E-02
<i>CCR1</i>	1.834	1.05E-02	<i>EOMES</i>	0.580	1.32E-02
<i>GAB3</i>	1.531	1.05E-02	<i>LANCL2</i>	-0.458	1.32E-02
<i>GZMH</i>	1.489	1.05E-02	<i>DHCR7</i>	-0.483	1.32E-02

<i>PRKCH</i>	1.184	1.05E-02	<i>LOC728485</i>	-0.537	1.32E-02
<i>CSTA</i>	1.098	1.05E-02	<i>LY96</i>	1.098	1.33E-02
<i>RARRES1</i>	0.982	1.05E-02	<i>LRRK2</i>	0.837	1.33E-02
<i>TRAF3</i>	0.887	1.05E-02	<i>LOC339524</i>	0.780	1.33E-02
<i>ANKDD1A</i>	0.781	1.05E-02	<i>ACSL5</i>	0.690	1.33E-02
<i>C8orf47</i>	0.389	1.05E-02	<i>KDR</i>	0.648	1.33E-02
<i>FONG</i>	0.341	1.05E-02	<i>CPM</i>	0.548	1.33E-02
<i>SCGB1D1</i>	-0.589	1.05E-02	<i>HIST1H4F</i>	-0.383	1.33E-02
<i>COBL</i>	-0.633	1.05E-02	<i>XYLB</i>	-0.440	1.33E-02
<i>C5</i>	-0.668	1.05E-02	<i>RABL5</i>	-0.470	1.33E-02
<i>DPCD</i>	-0.709	1.05E-02	<i>GMFG</i>	0.985	1.34E-02
<i>FAM98C</i>	-0.766	1.05E-02	<i>PRRX1</i>	0.900	1.34E-02
<i>ARNTL2</i>	1.362	1.06E-02	<i>SUSD1</i>	0.687	1.34E-02
<i>IFNAR2</i>	1.048	1.06E-02	<i>APOL4</i>	0.517	1.34E-02
<i>TESPA1</i>	0.972	1.06E-02	<i>LRRCC1</i>	-0.513	1.34E-02
<i>MUC15</i>	0.502	1.06E-02	<i>NOP56</i>	-0.573	1.34E-02
<i>PKHD1L1</i>	0.372	1.06E-02	<i>MXRA5</i>	0.903	1.35E-02
<i>MAGEA4</i>	0.315	1.06E-02	<i>PTPN22</i>	0.848	1.35E-02
<i>EML6</i>	-0.573	1.06E-02	<i>DARC</i>	0.810	1.35E-02
<i>SNORD8</i>	-0.595	1.06E-02	<i>CYP1B1</i>	0.703	1.35E-02
<i>FAM222A-AS1</i>	-0.621	1.06E-02	<i>CXCL13</i>	0.545	1.35E-02
<i>SFT2D3</i>	-0.648	1.06E-02	<i>C10orf12</i>	-0.435	1.35E-02
<i>KAZALD1</i>	-0.671	1.06E-02	<i>HIST1H4G</i>	-0.460	1.35E-02
<i>MFSD3</i>	-0.762	1.06E-02	<i>THAP9</i>	-0.513	1.35E-02
<i>ISG20</i>	1.639	1.07E-02	<i>HAUS8</i>	-0.537	1.35E-02
<i>CXCR4</i>	1.316	1.07E-02	<i>FHL1</i>	0.778	1.36E-02
<i>LRRC6</i>	-0.536	1.07E-02	<i>HPGDS</i>	0.678	1.36E-02
<i>RBM20</i>	-0.548	1.07E-02	<i>NR1H3</i>	0.648	1.36E-02
<i>CSPG5</i>	-0.617	1.07E-02	<i>IGDCC4</i>	0.547	1.36E-02
<i>GDPD3</i>	-0.624	1.07E-02	<i>IGLL3P</i>	0.525	1.36E-02
<i>ULK4</i>	-0.643	1.07E-02	<i>ABCB1</i>	0.495	1.36E-02
<i>GPR18</i>	1.320	1.08E-02	<i>ZSCAN5A</i>	-0.423	1.36E-02
<i>ERP27</i>	0.598	1.08E-02	<i>KIAA2022</i>	-0.463	1.36E-02
<i>PROM1</i>	0.502	1.08E-02	<i>KSR2</i>	-0.467	1.36E-02
<i>SETD3</i>	-0.578	1.08E-02	<i>FP588</i>	-0.553	1.36E-02
<i>LDHC</i>	-0.582	1.08E-02	<i>SLAMF8</i>	0.985	1.37E-02
<i>TUBG2</i>	-0.655	1.08E-02	<i>GPRIN3</i>	0.453	1.37E-02
<i>KISS1R</i>	-0.661	1.08E-02	<i>IQCD</i>	-0.463	1.37E-02
<i>ATP9A</i>	-0.737	1.08E-02	<i>CLVS1</i>	-0.470	1.37E-02
<i>CD1D</i>	0.939	1.09E-02	<i>ZNF491</i>	-0.477	1.37E-02
<i>ALPK2</i>	0.875	1.09E-02	<i>PYCRL</i>	-0.555	1.37E-02
<i>ST8SIA1</i>	0.641	1.09E-02	<i>CCR5</i>	0.938	1.38E-02
<i>RGMB</i>	-0.586	1.09E-02	<i>ALOX5</i>	0.893	1.38E-02
<i>CAPN8</i>	-0.597	1.09E-02	<i>C1orf100</i>	-0.467	1.38E-02
<i>SLC41A3</i>	-0.639	1.09E-02	<i>SNRPC</i>	-0.563	1.38E-02
<i>NPAS2</i>	-0.645	1.09E-02	<i>OXLD1</i>	-0.563	1.38E-02
<i>CACNB2</i>	-0.679	1.09E-02	<i>HIST1H2BI</i>	-0.405	1.39E-02
<i>LYZL4</i>	-0.741	1.09E-02	<i>GLS2</i>	-0.465	1.39E-02
<i>ZNF397</i>	-0.748	1.09E-02	<i>FAHD2A</i>	-0.513	1.39E-02
<i>FLJ45983</i>	-0.769	1.09E-02	<i>CUX2</i>	0.293	1.40E-02
<i>CD247</i>	1.611	1.10E-02	<i>HIST1H3A</i>	-0.393	1.40E-02

<i>CFHR2</i>	0.785	1.10E-02	<i>LCN12</i>	-0.413	1.40E-02
<i>TIMD4</i>	0.624	1.10E-02	<i>C3orf37</i>	-0.473	1.40E-02
<i>ARHGAP36</i>	-0.586	1.10E-02	<i>ARHGAP30</i>	1.020	1.41E-02
<i>DDAH1</i>	-0.643	1.10E-02	<i>CD68</i>	0.935	1.41E-02
<i>C11orf52</i>	-0.714	1.10E-02	<i>SERPINB9</i>	0.678	1.41E-02
<i>SLC26A11</i>	-0.733	1.10E-02	<i>KL</i>	0.455	1.41E-02
<i>C2</i>	1.637	1.11E-02	<i>TRAF3IP1</i>	-0.438	1.41E-02
<i>TLR3</i>	1.365	1.11E-02	<i>AIF1</i>	1.133	1.42E-02
<i>STYK1</i>	0.588	1.11E-02	<i>CCRL2</i>	0.783	1.42E-02
<i>ZNF541</i>	-0.682	1.11E-02	<i>PLXNC1</i>	0.780	1.42E-02
<i>PSMB8</i>	1.924	1.12E-02	<i>PLXDC2</i>	0.777	1.42E-02
<i>IGSF6</i>	1.640	1.12E-02	<i>ABCA9</i>	0.670	1.42E-02
<i>LBH</i>	1.068	1.12E-02	<i>GEMIN8</i>	-0.450	1.42E-02
<i>SLC48A1</i>	-0.714	1.12E-02	<i>TM4SF18</i>	0.583	1.43E-02
<i>CUL7</i>	-0.770	1.12E-02	<i>KLHL34</i>	-0.423	1.43E-02
<i>TMEM71</i>	1.015	1.13E-02	<i>HYLS1</i>	-0.490	1.43E-02
<i>PLEKHG1</i>	0.850	1.13E-02	<i>FXN</i>	-0.503	1.43E-02
<i>HHEX</i>	0.824	1.13E-02	<i>ADNP2</i>	-0.503	1.43E-02
<i>SHROOM2</i>	-0.633	1.13E-02	<i>CHRNA5</i>	-0.505	1.43E-02
<i>ENPP7</i>	-0.741	1.13E-02	<i>SEPT6</i>	0.763	1.44E-02
<i>LHFPL2</i>	1.291	1.14E-02	<i>SYK</i>	0.730	1.44E-02
<i>CD83</i>	1.284	1.14E-02	<i>FAM26F</i>	0.713	1.44E-02
<i>MSL3</i>	0.736	1.14E-02	<i>MARVELD2</i>	-0.453	1.44E-02
<i>MFHAS1</i>	0.679	1.14E-02	<i>COL5A2</i>	0.960	1.45E-02
<i>FAM176C</i>	0.548	1.14E-02	<i>FNDC1</i>	0.653	1.45E-02
<i>EPYC</i>	0.468	1.14E-02	<i>ELMO1</i>	0.608	1.45E-02
<i>ACTRT3</i>	0.430	1.14E-02	<i>SMC1B</i>	-0.397	1.45E-02
<i>TCTN2</i>	-0.564	1.14E-02	<i>LOC100271722</i>	-0.467	1.45E-02
<i>CPO</i>	-0.568	1.14E-02	<i>NSUN5P2</i>	-0.565	1.45E-02
<i>CCDC147</i>	-0.653	1.14E-02	<i>PTGDS</i>	0.863	1.46E-02
<i>SOGA3</i>	-0.687	1.14E-02	<i>TOR4A</i>	0.678	1.46E-02
<i>PRLR</i>	-0.705	1.14E-02	<i>ART3</i>	-0.375	1.46E-02
<i>COX16</i>	-0.713	1.14E-02	<i>WDR5</i>	-0.553	1.46E-02
<i>UNC79</i>	-0.726	1.14E-02	<i>GLIPR1</i>	1.018	1.47E-02
<i>ARAP2</i>	1.571	1.15E-02	<i>OLFML2B</i>	0.838	1.47E-02
<i>PVRIG</i>	1.502	1.15E-02	<i>BTNL9</i>	0.313	1.47E-02
<i>LAX1</i>	1.295	1.15E-02	<i>ST20</i>	-0.408	1.47E-02
<i>TMEM45B</i>	-0.625	1.15E-02	<i>HIST1H4E</i>	-0.408	1.47E-02
<i>ASTN2</i>	-0.632	1.15E-02	<i>IGSF3</i>	-0.443	1.47E-02
<i>ANO8</i>	-0.708	1.15E-02	<i>EPS8L2</i>	-0.498	1.47E-02
<i>BTN3A1</i>	1.794	1.16E-02	<i>PYHIN1</i>	0.680	1.48E-02
<i>APOL6</i>	1.749	1.16E-02	<i>MNI</i>	0.593	1.48E-02
<i>PIK3CD</i>	1.625	1.16E-02	<i>MSI2</i>	-0.400	1.48E-02
<i>NFKBIE</i>	1.514	1.16E-02	<i>ARNT2</i>	-0.415	1.48E-02
<i>SLAMF1</i>	1.429	1.16E-02	<i>IRF6</i>	-0.443	1.48E-02
<i>MAF</i>	1.064	1.16E-02	<i>FAM222A-AS1</i>	-0.447	1.48E-02
<i>SPP1</i>	0.689	1.16E-02	<i>PPCDC</i>	-0.473	1.48E-02
<i>TLR8</i>	1.706	1.17E-02	<i>CCNE2</i>	-0.543	1.48E-02
<i>HLA-DOB</i>	1.571	1.17E-02	<i>FBN1</i>	1.053	1.49E-02
<i>SLC12A8</i>	0.486	1.17E-02	<i>TXNIP</i>	0.918	1.49E-02
<i>LOC283174</i>	-0.655	1.17E-02	<i>VWF</i>	0.893	1.49E-02

<i>CTNNBIP1</i>	-0.714	1.17E-02	<i>DNMT3B</i>	-0.498	1.49E-02
<i>NENF</i>	-0.726	1.17E-02	<i>DNAJC27</i>	-0.517	1.49E-02
<i>TAL2</i>	-0.744	1.17E-02	<i>FOLR2</i>	1.088	1.50E-02
<i>SIRPG</i>	1.411	1.18E-02	<i>AOAH</i>	0.913	1.50E-02
<i>PARP8</i>	1.248	1.18E-02	<i>PAPLN</i>	0.597	1.50E-02
<i>TPST2</i>	0.974	1.18E-02	<i>NIM1</i>	-0.430	1.50E-02
<i>HSD11B1</i>	0.920	1.18E-02	<i>PCYT2</i>	-0.538	1.50E-02
<i>CCDC83</i>	-0.506	1.18E-02	<i>ECM2</i>	0.948	1.51E-02
<i>DNMBP</i>	-0.582	1.18E-02	<i>TREM2</i>	0.838	1.51E-02
<i>MS4A6A</i>	1.908	1.19E-02	<i>CCL4</i>	0.828	1.51E-02
<i>APOE</i>	1.258	1.19E-02	<i>TSPAN7</i>	0.673	1.51E-02
<i>RASGRP1</i>	1.046	1.19E-02	<i>RTN1</i>	0.533	1.51E-02
<i>MT1H</i>	0.576	1.19E-02	<i>MYB</i>	-0.475	1.51E-02
<i>UNC13B</i>	-0.609	1.19E-02	<i>LYRM2</i>	-0.480	1.51E-02
<i>FLJ25758</i>	-0.667	1.19E-02	<i>NTHL1</i>	-0.565	1.51E-02
<i>GTDC2</i>	-0.668	1.19E-02	<i>APOL1</i>	0.868	1.52E-02
<i>PPM1K</i>	1.159	1.20E-02	<i>DPYSL3</i>	0.803	1.52E-02
<i>PLA1A</i>	0.821	1.20E-02	<i>TMEM119</i>	0.777	1.52E-02
<i>DPY19L2</i>	-0.595	1.20E-02	<i>P2RY12</i>	0.453	1.52E-02
<i>DNAH12</i>	-0.666	1.20E-02	<i>PRRT3</i>	-0.450	1.52E-02
<i>ALAD</i>	-0.678	1.20E-02	<i>APOA1BP</i>	-0.560	1.52E-02
<i>PROKR2</i>	-0.686	1.20E-02	<i>RCSD1</i>	0.800	1.53E-02
<i>DNAL4</i>	-0.693	1.20E-02	<i>USF1</i>	-0.377	1.53E-02
<i>CHD6</i>	-0.777	1.20E-02	<i>SPINK13</i>	-0.380	1.53E-02
<i>ADCY7</i>	1.538	1.21E-02	<i>CASP4</i>	1.000	1.54E-02
<i>OAS3</i>	1.495	1.21E-02	<i>ARHGAP9</i>	0.983	1.54E-02
<i>P2RY10</i>	1.385	1.21E-02	<i>FERMT3</i>	0.923	1.54E-02
<i>ACP5</i>	1.101	1.21E-02	<i>SAMD3</i>	0.630	1.54E-02
<i>PTPDC1</i>	-0.653	1.21E-02	<i>RGS13</i>	0.360	1.54E-02
<i>MILR1</i>	1.045	1.22E-02	<i>AMICA1</i>	0.857	1.55E-02
<i>BLNK</i>	0.888	1.22E-02	<i>PPP1R16B</i>	0.738	1.55E-02
<i>C15orf32</i>	-0.586	1.22E-02	<i>SLC2A3</i>	0.818	1.56E-02
<i>ALDH1L1</i>	-0.608	1.22E-02	<i>ESAM</i>	0.677	1.56E-02
<i>ALX1</i>	-0.612	1.22E-02	<i>EMB</i>	0.580	1.56E-02
<i>ARHGAP35</i>	-0.698	1.22E-02	<i>RGL1</i>	0.923	1.57E-02
<i>RFTN1</i>	1.436	1.23E-02	<i>IL18BP</i>	0.830	1.57E-02
<i>NOD2</i>	1.148	1.23E-02	<i>ITIH5</i>	0.743	1.57E-02
<i>ANKRD45</i>	0.365	1.23E-02	<i>DYNC111</i>	-0.455	1.57E-02
<i>ZNF287</i>	-0.649	1.23E-02	<i>RNF133</i>	-0.463	1.57E-02
<i>C14orf132</i>	-0.751	1.23E-02	<i>PPP1R13B</i>	-0.490	1.57E-02
<i>FCER1G</i>	1.847	1.24E-02	<i>C5orf20</i>	0.620	1.58E-02
<i>GZMK</i>	1.622	1.24E-02	<i>HOXA5</i>	0.353	1.58E-02
<i>NKG7</i>	1.528	1.24E-02	<i>KLHL23</i>	-0.500	1.58E-02
<i>KBTBD8</i>	1.211	1.24E-02	<i>EARS2</i>	-0.520	1.58E-02
<i>MZB1</i>	1.206	1.24E-02	<i>IL1R1</i>	0.850	1.59E-02
<i>PODXL</i>	0.678	1.24E-02	<i>FAM78A</i>	0.807	1.59E-02
<i>HES1</i>	-0.557	1.24E-02	<i>MMRN2</i>	0.675	1.59E-02
<i>PEX11A</i>	-0.615	1.24E-02	<i>ANGPTL1</i>	0.663	1.59E-02
<i>TMCO5A</i>	-0.697	1.24E-02	<i>IGSF10</i>	0.537	1.59E-02
<i>ERBB4</i>	-0.699	1.24E-02	<i>RAB12</i>	-0.393	1.59E-02
<i>KIF3A</i>	-0.721	1.24E-02	<i>ZSCAN2</i>	-0.465	1.59E-02

<i>PARP12</i>	1.711	1.25E-02	<i>GLT8D2</i>	1.000	1.60E-02
<i>LTB</i>	1.685	1.25E-02	<i>KLF2</i>	0.728	1.60E-02
<i>EGR2</i>	1.043	1.25E-02	<i>ZNF319</i>	0.497	1.60E-02
<i>C14orf37</i>	-0.564	1.25E-02	<i>GPR133</i>	0.427	1.60E-02
<i>ZNF445</i>	-0.674	1.25E-02	<i>ZNF620</i>	-0.370	1.60E-02
<i>TTC8</i>	-0.731	1.25E-02	<i>TACC2</i>	-0.463	1.60E-02
<i>MAGED2</i>	-0.751	1.25E-02	<i>ZNF709</i>	-0.500	1.60E-02
<i>CD52</i>	1.660	1.26E-02	<i>TH1L</i>	-0.548	1.60E-02
<i>IL27RA</i>	1.256	1.26E-02	<i>PLEKHO2</i>	1.078	1.61E-02
<i>IQCE</i>	-0.645	1.26E-02	<i>THBD</i>	0.740	1.61E-02
<i>LCK</i>	1.637	1.27E-02	<i>VWA5A</i>	0.670	1.61E-02
<i>NT5C3</i>	0.862	1.27E-02	<i>FAM46C</i>	0.440	1.61E-02
<i>A2ML1</i>	0.587	1.27E-02	<i>MAB21L1</i>	0.410	1.61E-02
<i>RGS13</i>	0.498	1.27E-02	<i>GZMA</i>	0.760	1.62E-02
<i>DYNC1H1</i>	-0.637	1.27E-02	<i>RRN3P2</i>	0.360	1.62E-02
<i>ARL8A</i>	-0.669	1.27E-02	<i>CD163L1</i>	0.343	1.62E-02
<i>C3AR1</i>	1.784	1.28E-02	<i>GLYATL2</i>	0.240	1.62E-02
<i>CYSLTR1</i>	1.202	1.28E-02	<i>BCL11A</i>	-0.483	1.62E-02
<i>IL31RA</i>	-0.612	1.28E-02	<i>RCBTB2</i>	0.913	1.63E-02
<i>SPON2</i>	-0.661	1.28E-02	<i>TACC1</i>	0.863	1.63E-02
<i>FBXO9</i>	-0.667	1.28E-02	<i>FOXN3</i>	0.805	1.63E-02
<i>LEAP2</i>	-0.684	1.28E-02	<i>MMP13</i>	0.435	1.63E-02
<i>DTX3</i>	-0.783	1.28E-02	<i>C10orf113</i>	0.117	1.63E-02
<i>SOD2</i>	1.625	1.29E-02	<i>WDR88</i>	-0.420	1.63E-02
<i>CD3G</i>	1.443	1.29E-02	<i>C5orf55</i>	-0.420	1.63E-02
<i>CPNE8</i>	1.022	1.29E-02	<i>HRASLS</i>	-0.383	1.64E-02
<i>CPNE5</i>	0.807	1.29E-02	<i>BTBD17</i>	-0.497	1.64E-02
<i>CHST9-AS1</i>	-0.524	1.29E-02	<i>RCOR2</i>	-0.540	1.64E-02
<i>OSBPL6</i>	-0.535	1.29E-02	<i>BIN2</i>	0.935	1.65E-02
<i>RIC8B</i>	-0.608	1.29E-02	<i>PCDHB8</i>	-0.348	1.66E-02
<i>RGS17</i>	-0.625	1.29E-02	<i>FXYD4</i>	-0.417	1.66E-02
<i>HLA-A</i>	1.840	1.30E-02	<i>ZBTB42</i>	-0.497	1.66E-02
<i>TNFRSF1B</i>	1.743	1.30E-02	<i>CD52</i>	0.905	1.67E-02
<i>MPP1</i>	1.041	1.30E-02	<i>NEXN</i>	0.833	1.67E-02
<i>PIP4K2A</i>	0.902	1.30E-02	<i>OLA1</i>	-0.498	1.67E-02
<i>SAYS1</i>	-0.620	1.30E-02	<i>MLKL</i>	0.863	1.68E-02
<i>KANK4</i>	-0.621	1.30E-02	<i>FOXP4</i>	-0.510	1.68E-02
<i>LRTOMT</i>	-0.644	1.30E-02	<i>MYO1F</i>	1.055	1.69E-02
<i>ESRRG</i>	-0.696	1.30E-02	<i>TGFBI</i>	0.878	1.69E-02
<i>TLR7</i>	1.427	1.31E-02	<i>LILRB5</i>	0.695	1.69E-02
<i>P2RY6</i>	1.194	1.31E-02	<i>TNFRSF17</i>	0.453	1.69E-02
<i>MAL</i>	0.734	1.31E-02	<i>CD300A</i>	0.965	1.70E-02
<i>HIST1H2BB</i>	-0.515	1.31E-02	<i>GNG11</i>	0.818	1.70E-02
<i>SLITRK6</i>	-0.547	1.31E-02	<i>HOXA10</i>	0.190	1.70E-02
<i>FLJ38379</i>	-0.604	1.31E-02	<i>HOXC13</i>	-0.418	1.70E-02
<i>WDFY3-AS2</i>	-0.672	1.31E-02	<i>CTDSPL</i>	-0.435	1.70E-02
<i>IFITM1</i>	1.591	1.32E-02	<i>OR7C1</i>	-0.515	1.70E-02
<i>HERC6</i>	1.541	1.32E-02	<i>PSMG3</i>	-0.557	1.70E-02
<i>UBE2E3</i>	0.928	1.32E-02	<i>TNFSF13B</i>	0.923	1.71E-02
<i>RAB33A</i>	0.745	1.32E-02	<i>OGN</i>	0.708	1.71E-02
<i>NAGS</i>	-0.614	1.32E-02	<i>TESPA1</i>	0.547	1.71E-02

<i>KIAA0895</i>	-0.660	1.32E-02	<i>SHROOM2</i>	-0.430	1.71E-02
<i>GGT7</i>	-0.732	1.32E-02	<i>RPL32P3</i>	-0.497	1.71E-02
<i>DNAH7</i>	-0.744	1.32E-02	<i>GIMAP2</i>	0.977	1.72E-02
<i>TMC8</i>	1.681	1.33E-02	<i>GUSBP11</i>	0.573	1.72E-02
<i>ARSE</i>	-0.578	1.33E-02	<i>CTBP2</i>	-0.450	1.72E-02
<i>MANEAL</i>	-0.610	1.33E-02	<i>SPPL3</i>	-0.487	1.72E-02
<i>ZNF483</i>	-0.643	1.33E-02	<i>CSRP2BP</i>	-0.490	1.72E-02
<i>FAM116B</i>	-0.763	1.33E-02	<i>GVINP1</i>	0.855	1.73E-02
<i>ANKRD44</i>	1.109	1.34E-02	<i>TMEM176B</i>	0.665	1.73E-02
<i>BCAT1</i>	0.872	1.34E-02	<i>AADAC</i>	0.358	1.73E-02
<i>SLFN13</i>	0.476	1.34E-02	<i>NKAPP1</i>	-0.410	1.73E-02
<i>LIN28B</i>	0.371	1.34E-02	<i>MLLT4</i>	-0.465	1.73E-02
<i>FAM189A1</i>	-0.659	1.34E-02	<i>RBM14</i>	-0.533	1.73E-02
<i>RAC2</i>	1.840	1.35E-02	<i>COL1A2</i>	0.970	1.74E-02
<i>IL6R</i>	0.996	1.35E-02	<i>CEP112</i>	0.683	1.74E-02
<i>CXCR2</i>	0.828	1.35E-02	<i>CD80</i>	0.663	1.74E-02
<i>FAM179A</i>	0.646	1.35E-02	<i>SH3RF3</i>	0.573	1.74E-02
<i>MTSS1</i>	-0.573	1.35E-02	<i>ANKDD1A</i>	0.490	1.74E-02
<i>C19orf18</i>	-0.628	1.35E-02	<i>C14orf39</i>	-0.353	1.74E-02
<i>RALGPS1</i>	-0.756	1.35E-02	<i>DNAL4</i>	-0.485	1.74E-02
<i>IFIT2</i>	1.669	1.36E-02	<i>C11orf45</i>	0.210	1.75E-02
<i>IL7R</i>	1.508	1.36E-02	<i>ZNF750</i>	-0.375	1.75E-02
<i>RFX5</i>	1.165	1.36E-02	<i>VCX</i>	-0.400	1.75E-02
<i>TMEM156</i>	0.768	1.36E-02	<i>DDX49</i>	-0.563	1.75E-02
<i>PIH1D2</i>	-0.569	1.36E-02	<i>ARHGDI8</i>	0.883	1.76E-02
<i>C1orf56</i>	-0.570	1.36E-02	<i>SOX17</i>	0.675	1.76E-02
<i>SLC22A23</i>	-0.687	1.36E-02	<i>SLC6A15</i>	-0.475	1.76E-02
<i>IFIH1</i>	1.855	1.37E-02	<i>PYROXD2</i>	-0.490	1.76E-02
<i>PLEKHA2</i>	0.890	1.37E-02	<i>TIMM13</i>	-0.543	1.76E-02
<i>SCD5</i>	0.588	1.37E-02	<i>HTRA1</i>	1.038	1.77E-02
<i>TDRD5</i>	-0.594	1.37E-02	<i>TMEM173</i>	0.830	1.77E-02
<i>SLC1A2</i>	-0.655	1.37E-02	<i>C11orf96</i>	0.663	1.77E-02
<i>HOOK2</i>	-0.687	1.37E-02	<i>CCDC23</i>	-0.440	1.77E-02
<i>LOC643923</i>	-0.760	1.37E-02	<i>CHRN3</i>	-0.525	1.77E-02
<i>AMICA1</i>	1.503	1.38E-02	<i>SGPP1</i>	0.818	1.78E-02
<i>TRAF1</i>	1.371	1.38E-02	<i>SLFN5</i>	0.780	1.78E-02
<i>FAM69A</i>	1.128	1.38E-02	<i>SLC39A8</i>	0.463	1.78E-02
<i>GPR114</i>	1.086	1.38E-02	<i>ZSWIM5</i>	-0.460	1.78E-02
<i>MYO5B</i>	-0.620	1.38E-02	<i>SNHG10</i>	-0.497	1.78E-02
<i>SOX13</i>	-0.682	1.38E-02	<i>SASH3</i>	1.043	1.79E-02
<i>ZFH4</i>	-0.684	1.38E-02	<i>TNFAIP8</i>	0.845	1.79E-02
<i>DDR1</i>	-0.731	1.38E-02	<i>MGLL</i>	0.695	1.79E-02
<i>ALOX5AP</i>	1.573	1.39E-02	<i>LMCD1</i>	0.685	1.79E-02
<i>FAM107B</i>	0.843	1.39E-02	<i>SOCS2</i>	0.380	1.79E-02
<i>DAPK1</i>	0.809	1.39E-02	<i>KCTD14</i>	-0.400	1.79E-02
<i>LYPD1</i>	0.561	1.39E-02	<i>C20orf96</i>	-0.437	1.79E-02
<i>C6orf164</i>	-0.589	1.39E-02	<i>PLK4</i>	-0.565	1.79E-02
<i>VAV3</i>	-0.594	1.39E-02	<i>NCF4</i>	0.985	1.80E-02
<i>CASC2</i>	-0.679	1.39E-02	<i>GBP3</i>	0.830	1.80E-02
<i>CD74</i>	1.769	1.40E-02	<i>SEMA5A</i>	0.778	1.80E-02
<i>SAMD9</i>	1.760	1.40E-02	<i>CLMP</i>	0.623	1.80E-02

<i>P2RY13</i>	1.557	1.40E-02	<i>IL18R1</i>	0.620	1.80E-02
<i>LTF</i>	0.638	1.40E-02	<i>MECOM</i>	0.420	1.80E-02
<i>TMED6</i>	-0.491	1.40E-02	<i>FUT4</i>	0.415	1.80E-02
<i>MX1</i>	1.593	1.41E-02	<i>DNASE1</i>	-0.408	1.80E-02
<i>FAM65B</i>	1.244	1.41E-02	<i>LOC646762</i>	-0.423	1.80E-02
<i>AMPD3</i>	1.023	1.41E-02	<i>RIC8B</i>	-0.430	1.80E-02
<i>KIAA0125</i>	1.003	1.41E-02	<i>RRP8</i>	-0.483	1.80E-02
<i>ACSL6</i>	0.406	1.41E-02	<i>EIF2B5</i>	-0.505	1.80E-02
<i>RNF133</i>	-0.634	1.41E-02	<i>SNX29</i>	0.747	1.81E-02
<i>POMT1</i>	-0.711	1.41E-02	<i>KLRF1</i>	0.415	1.81E-02
<i>ITGAL</i>	1.722	1.42E-02	<i>PDC</i>	-0.420	1.81E-02
<i>FAM78A</i>	1.386	1.42E-02	<i>OIP5</i>	-0.568	1.81E-02
<i>SLC26A9</i>	0.458	1.42E-02	<i>PCOLCE</i>	0.950	1.82E-02
<i>ZNF490</i>	-0.596	1.42E-02	<i>EMCN</i>	0.815	1.82E-02
<i>LRRC17</i>	-0.654	1.42E-02	<i>RAI2</i>	0.620	1.82E-02
<i>CARKD</i>	-0.715	1.42E-02	<i>GJA5</i>	0.608	1.82E-02
<i>NOL3</i>	-0.729	1.42E-02	<i>GUCY1B3</i>	0.600	1.82E-02
<i>BTN3A3</i>	1.896	1.43E-02	<i>GJB2</i>	0.397	1.82E-02
<i>ZNF479</i>	-0.542	1.43E-02	<i>CD74</i>	0.963	1.83E-02
<i>C17orf78</i>	-0.588	1.43E-02	<i>DRAM1</i>	0.940	1.83E-02
<i>SETD4</i>	-0.630	1.43E-02	<i>VAV1</i>	0.860	1.83E-02
<i>MUM1</i>	-0.705	1.43E-02	<i>FBXO22</i>	-0.505	1.83E-02
<i>SHC2</i>	-0.756	1.43E-02	<i>TNPO2</i>	-0.533	1.83E-02
<i>FERMT3</i>	1.638	1.44E-02	<i>RFTN1</i>	0.773	1.85E-02
<i>CCR7</i>	1.497	1.44E-02	<i>STAT5A</i>	0.735	1.85E-02
<i>CD24</i>	0.590	1.44E-02	<i>SPOCK1</i>	0.705	1.85E-02
<i>DEFB1</i>	0.571	1.44E-02	<i>SNTB2</i>	0.673	1.85E-02
<i>ACSS3</i>	-0.569	1.44E-02	<i>TDO2</i>	0.428	1.85E-02
<i>LOC283588</i>	-0.638	1.44E-02	<i>SCG2</i>	0.408	1.85E-02
<i>TADA2B</i>	-0.646	1.44E-02	<i>PCK1</i>	0.288	1.85E-02
<i>PLEK</i>	1.825	1.45E-02	<i>AAR2</i>	-0.460	1.85E-02
<i>EVI2A</i>	1.672	1.45E-02	<i>SPATA25</i>	-0.493	1.85E-02
<i>CLEC2B</i>	1.406	1.45E-02	<i>MMACHC</i>	-0.508	1.85E-02
<i>APOBEC3C</i>	1.114	1.45E-02	<i>SPARC</i>	1.010	1.86E-02
<i>AKR1B1</i>	1.054	1.45E-02	<i>EPB41L2</i>	0.680	1.86E-02
<i>CDK20</i>	-0.628	1.45E-02	<i>ADAMDEC1</i>	0.575	1.86E-02
<i>CES4A</i>	-0.710	1.45E-02	<i>LHFP</i>	0.943	1.87E-02
<i>LOC441204</i>	-0.764	1.45E-02	<i>PPAP2A</i>	0.815	1.87E-02
<i>TEX264</i>	-0.789	1.45E-02	<i>HS3ST2</i>	0.675	1.87E-02
<i>LINC00189</i>	-0.462	1.46E-02	<i>PARP15</i>	0.580	1.87E-02
<i>AGR2</i>	-0.536	1.46E-02	<i>CDO1</i>	0.560	1.87E-02
<i>APOOL</i>	-0.606	1.46E-02	<i>SIX4</i>	-0.423	1.87E-02
<i>MAP2K5</i>	-0.662	1.46E-02	<i>C18orf56</i>	-0.510	1.87E-02
<i>CDC42SE2</i>	1.668	1.47E-02	<i>NOM1</i>	-0.527	1.87E-02
<i>PATL2</i>	1.339	1.47E-02	<i>GPRIN1</i>	-0.560	1.87E-02
<i>SLC9A7</i>	0.592	1.47E-02	<i>UGT8</i>	-0.408	1.88E-02
<i>PPEF1</i>	-0.578	1.47E-02	<i>DIP2A</i>	-0.420	1.88E-02
<i>HIST1H4G</i>	-0.614	1.47E-02	<i>LOC144486</i>	-0.453	1.88E-02
<i>DLG2</i>	-0.649	1.47E-02	<i>FLJ25758</i>	-0.477	1.88E-02
<i>ZBTB45</i>	-0.702	1.47E-02	<i>INCENP</i>	-0.510	1.88E-02
<i>SYT9</i>	-0.713	1.47E-02	<i>DANCR</i>	-0.523	1.88E-02

ZNF428	-0.726	1.47E-02	ANGPTL2	1.020	1.89E-02
C21orf88	-0.750	1.47E-02	MS4A7	0.847	1.89E-02
PRKCQ	1.035	1.48E-02	CTTN	-0.415	1.89E-02
ADORA2A	0.811	1.48E-02	FAM84A	-0.420	1.89E-02
ABCB1	0.605	1.48E-02	WDR67	-0.538	1.89E-02
EEPD1	-0.569	1.48E-02	SRPX2	0.723	1.90E-02
PHF20	-0.609	1.48E-02	NOX4	0.463	1.90E-02
KCNE2	-0.671	1.48E-02	PMF1	-0.515	1.90E-02
AMN1	-0.704	1.48E-02	CDH11	0.938	1.91E-02
HAVCR2	1.633	1.49E-02	FCN1	0.878	1.91E-02
WNT8A	-0.531	1.49E-02	LYVE1	0.780	1.91E-02
WDR27	-0.724	1.49E-02	CD3D	0.735	1.91E-02
WIPF1	1.761	1.50E-02	FBXO16	-0.397	1.91E-02
KLRB1	1.461	1.50E-02	DFFB	-0.490	1.91E-02
LRMP	1.327	1.50E-02	SHANK2	-0.510	1.91E-02
BANK1	0.933	1.50E-02	SLC41A2	0.737	1.92E-02
FCRLA	0.799	1.50E-02	PARM1	0.543	1.92E-02
BTBD11	0.304	1.50E-02	RBM4	-0.467	1.92E-02
PCDH10	-0.615	1.50E-02	LOC339352	-0.517	1.92E-02
UBASH3B	0.858	1.51E-02	PAQR4	-0.520	1.92E-02
ORM2	0.360	1.51E-02	SRPX	0.845	1.93E-02
ZNF354C	-0.518	1.51E-02	PHACTR2	0.760	1.93E-02
CAPS2	-0.525	1.51E-02	KLRK1	0.715	1.93E-02
FOXP2	-0.631	1.51E-02	SHE	0.687	1.93E-02
SLFN12	1.106	1.52E-02	PLBD1	0.578	1.93E-02
FAM20A	0.981	1.52E-02	AXDND1	-0.387	1.93E-02
RAB37	0.873	1.52E-02	ALX1	-0.428	1.93E-02
SNTN	-0.520	1.52E-02	ESCO2	-0.540	1.93E-02
ARMC12	-0.637	1.52E-02	ECSCR	0.737	1.94E-02
PLXNB3	-0.713	1.52E-02	GALNT12	0.343	1.94E-02
MZT2A	-0.717	1.52E-02	KLF5	-0.460	1.94E-02
UBASH3A	1.235	1.53E-02	FGD2	0.957	1.95E-02
CCR6	0.628	1.53E-02	TLR8	0.888	1.95E-02
HOPX	0.578	1.53E-02	ABHD6	0.488	1.95E-02
SDK1	0.491	1.53E-02	CUZD1	-0.440	1.95E-02
DUSP15	-0.744	1.53E-02	BCL9	-0.463	1.95E-02
NCKAP1L	1.761	1.54E-02	COQ7	-0.465	1.95E-02
CST7	1.586	1.54E-02	PALD1	0.353	1.96E-02
LILRB4	1.412	1.54E-02	YBEY	-0.433	1.96E-02
MIAT	1.238	1.54E-02	TCF20	-0.470	1.96E-02
PLCG2	1.147	1.54E-02	UBXN2B	-0.478	1.96E-02
SYT11	1.129	1.54E-02	LOC284023	-0.480	1.96E-02
LOC100130100	1.033	1.54E-02	C10orf54	1.030	1.97E-02
ZSWIM1	-0.581	1.54E-02	DDX43	0.120	1.97E-02
PGLYRP2	-0.602	1.54E-02	TTY10	-0.400	1.97E-02
AUTS2	-0.624	1.54E-02	GLB1L3	0.137	1.98E-02
ZNF683	1.431	1.55E-02	C7orf26	-0.505	1.98E-02
PAQR8	0.764	1.55E-02	PIK3CG	0.740	1.99E-02
MAGEA12	0.345	1.55E-02	RAB20	0.605	1.99E-02
GRIK2	-0.635	1.55E-02	PLEKHA2	0.568	1.99E-02
C16orf48	-0.719	1.55E-02	ITGAL	0.908	2.00E-02

<i>LYN</i>	1.587	1.56E-02	<i>CCL19</i>	0.665	2.00E-02
<i>APIS2</i>	1.202	1.56E-02	<i>NLRC5</i>	0.833	2.01E-02
<i>TSPAN33</i>	0.726	1.56E-02	<i>SELP</i>	0.820	2.01E-02
<i>IQCG</i>	0.599	1.56E-02	<i>IGFBP3</i>	0.625	2.01E-02
<i>CRISP3</i>	-0.458	1.56E-02	<i>SALL1</i>	0.213	2.01E-02
<i>CNIH3</i>	-0.502	1.56E-02	<i>TCAM1P</i>	-0.360	2.01E-02
<i>CKMT2</i>	-0.559	1.56E-02	<i>ENDOV</i>	-0.473	2.01E-02
<i>HILPDA</i>	-0.562	1.56E-02	<i>MUCL1</i>	0.287	2.02E-02
<i>UNC80</i>	-0.638	1.56E-02	<i>ZNF233</i>	-0.397	2.02E-02
<i>ENDOV</i>	-0.660	1.56E-02	<i>RAB11FIP4</i>	-0.483	2.02E-02
<i>ARHGAP30</i>	1.740	1.57E-02	<i>GNG4</i>	-0.495	2.02E-02
<i>ETS1</i>	1.410	1.57E-02	<i>CTSS</i>	1.055	2.03E-02
<i>EPB41L3</i>	0.962	1.57E-02	<i>TMEM140</i>	0.955	2.03E-02
<i>CCL7</i>	0.931	1.57E-02	<i>FUCA1</i>	0.905	2.03E-02
<i>LOC148709</i>	-0.540	1.57E-02	<i>CARD16</i>	0.857	2.03E-02
<i>NPY1R</i>	-0.549	1.57E-02	<i>SEMA3G</i>	0.658	2.03E-02
<i>REPS2</i>	-0.595	1.57E-02	<i>RASGRP3</i>	0.628	2.03E-02
<i>TBC1D16</i>	-0.623	1.57E-02	<i>BST1</i>	0.625	2.03E-02
<i>ZNF827</i>	-0.641	1.57E-02	<i>ZNF174</i>	-0.433	2.03E-02
<i>CYTH2</i>	-0.668	1.57E-02	<i>ABCA8</i>	0.745	2.04E-02
<i>AKAP1</i>	-0.716	1.57E-02	<i>LRRN4CL</i>	0.740	2.04E-02
<i>GPR84</i>	1.288	1.58E-02	<i>ICOS</i>	0.615	2.04E-02
<i>GAPT</i>	0.996	1.58E-02	<i>TIGIT</i>	0.530	2.04E-02
<i>ANXA2R</i>	0.699	1.58E-02	<i>C10orf11</i>	0.530	2.04E-02
<i>TNFSF15</i>	0.560	1.58E-02	<i>ZBED2</i>	0.348	2.04E-02
<i>DNAJA4</i>	-0.503	1.58E-02	<i>LAMA1</i>	0.237	2.04E-02
<i>CLSTN2</i>	-0.627	1.58E-02	<i>CD300LF</i>	0.847	2.05E-02
<i>PRKCZ</i>	-0.646	1.58E-02	<i>CMPK2</i>	0.623	2.05E-02
<i>KIAA1522</i>	-0.697	1.58E-02	<i>BCL11B</i>	0.453	2.05E-02
<i>OAS1</i>	1.560	1.59E-02	<i>PTCD1</i>	-0.475	2.05E-02
<i>NEK6</i>	0.932	1.59E-02	<i>MIR600HG</i>	-0.508	2.05E-02
<i>SLC34A2</i>	0.603	1.59E-02	<i>SELL</i>	0.775	2.06E-02
<i>FLJ40852</i>	-0.583	1.59E-02	<i>GAPT</i>	0.610	2.06E-02
<i>ST7L</i>	-0.584	1.59E-02	<i>ERMN</i>	0.283	2.06E-02
<i>NDNF</i>	-0.602	1.59E-02	<i>KIAA1328</i>	-0.387	2.06E-02
<i>TMEM120B</i>	-0.646	1.59E-02	<i>TULP3</i>	-0.430	2.06E-02
<i>S100A8</i>	1.095	1.60E-02	<i>FYB</i>	0.945	2.07E-02
<i>CXorf38</i>	0.963	1.60E-02	<i>TGM2</i>	0.793	2.07E-02
<i>SCG3</i>	-0.513	1.60E-02	<i>MDFIC</i>	0.710	2.07E-02
<i>EFCAB6</i>	-0.636	1.60E-02	<i>GBP5</i>	0.790	2.08E-02
<i>HLA-C</i>	1.893	1.61E-02	<i>MAN1A1</i>	0.738	2.08E-02
<i>APBB1IP</i>	1.419	1.61E-02	<i>CD84</i>	0.933	2.09E-02
<i>CD40</i>	1.304	1.61E-02	<i>JAM2</i>	0.858	2.09E-02
<i>CMTM7</i>	0.864	1.61E-02	<i>TLR2</i>	0.813	2.09E-02
<i>CD200</i>	0.800	1.61E-02	<i>RHOU</i>	0.387	2.09E-02
<i>ANKRD30A</i>	-0.559	1.61E-02	<i>FAM120C</i>	-0.383	2.09E-02
<i>TRIM21</i>	1.513	1.62E-02	<i>DTYMK</i>	-0.565	2.09E-02
<i>C11orf71</i>	0.740	1.62E-02	<i>MEF2C</i>	0.778	2.10E-02
<i>IQCD</i>	-0.607	1.62E-02	<i>FGF7</i>	0.590	2.10E-02
<i>HSD11B2</i>	-0.614	1.62E-02	<i>FKBP11</i>	0.533	2.10E-02
<i>N6AMT1</i>	-0.618	1.62E-02	<i>ACVR1C</i>	0.353	2.10E-02

<i>LOC339352</i>	-0.718	1.62E-02	<i>SDK1</i>	0.333	2.10E-02
<i>SASH3</i>	1.858	1.63E-02	<i>ITK</i>	0.733	2.11E-02
<i>GABRP</i>	0.766	1.63E-02	<i>ZNF300P1</i>	0.327	2.11E-02
<i>ARMC3</i>	-0.613	1.63E-02	<i>EPYC</i>	0.273	2.11E-02
<i>ABCG5</i>	-0.637	1.63E-02	<i>IPO4</i>	-0.553	2.11E-02
<i>MANSC1</i>	-0.666	1.63E-02	<i>LCP1</i>	0.858	2.12E-02
<i>HCST</i>	1.611	1.64E-02	<i>EGFLAM</i>	0.490	2.12E-02
<i>SLFN5</i>	1.313	1.64E-02	<i>ANO4</i>	-0.383	2.12E-02
<i>ICAM2</i>	1.176	1.64E-02	<i>BTBD9</i>	-0.467	2.12E-02
<i>OSBPL3</i>	0.949	1.64E-02	<i>HBZ</i>	-0.390	2.13E-02
<i>PAPLN</i>	0.797	1.64E-02	<i>RASSF4</i>	0.728	2.14E-02
<i>LINC00310</i>	-0.492	1.64E-02	<i>MIAT</i>	0.710	2.14E-02
<i>ZNF620</i>	-0.496	1.64E-02	<i>SPRY1</i>	0.595	2.14E-02
<i>NEFM</i>	-0.531	1.64E-02	<i>C9orf84</i>	0.317	2.14E-02
<i>HOOK1</i>	-0.658	1.64E-02	<i>MICAL3</i>	-0.435	2.14E-02
<i>ELP2</i>	-0.690	1.64E-02	<i>DNAH11</i>	-0.443	2.14E-02
<i>GMFG</i>	1.641	1.65E-02	<i>ZNF124</i>	-0.458	2.14E-02
<i>C17orf97</i>	-0.525	1.65E-02	<i>CBY1</i>	-0.470	2.14E-02
<i>NAT8</i>	-0.582	1.65E-02	<i>DDR1</i>	-0.500	2.14E-02
<i>NME3</i>	-0.769	1.65E-02	<i>TAF5</i>	-0.538	2.14E-02
<i>FAM49A</i>	1.059	1.66E-02	<i>GAB3</i>	0.743	2.15E-02
<i>FMO1</i>	1.035	1.66E-02	<i>PAX6</i>	-0.365	2.15E-02
<i>SYTL3</i>	0.721	1.66E-02	<i>ZFP64</i>	-0.395	2.15E-02
<i>HLA-DQA1</i>	0.639	1.66E-02	<i>EFNA4</i>	-0.458	2.15E-02
<i>SLC47A1</i>	0.354	1.66E-02	<i>PPP1R9A</i>	-0.473	2.15E-02
<i>NLRP2</i>	0.261	1.66E-02	<i>SH2D6</i>	-0.473	2.15E-02
<i>MAEL</i>	0.248	1.66E-02	<i>CCL5</i>	0.845	2.16E-02
<i>GDF11</i>	-0.587	1.66E-02	<i>NABP1</i>	0.813	2.16E-02
<i>ZNF552</i>	-0.587	1.66E-02	<i>POU2AF1</i>	0.500	2.16E-02
<i>TSHZ1</i>	-0.699	1.66E-02	<i>CCDC149</i>	-0.443	2.16E-02
<i>OSBPL5</i>	-0.704	1.66E-02	<i>LOC728537</i>	-0.467	2.17E-02
<i>POLRMT</i>	-0.770	1.66E-02	<i>CD96</i>	0.705	2.19E-02
<i>HVCN1</i>	1.272	1.67E-02	<i>FAM20A</i>	0.597	2.19E-02
<i>RASGEF1B</i>	0.627	1.67E-02	<i>HAO1</i>	-0.478	2.19E-02
<i>CCL26</i>	0.518	1.67E-02	<i>PLVAP</i>	0.718	2.20E-02
<i>IGF2BP2</i>	0.511	1.67E-02	<i>GCET2</i>	0.423	2.20E-02
<i>CA5A</i>	-0.577	1.67E-02	<i>VSIG10</i>	-0.395	2.20E-02
<i>PRKCB</i>	1.365	1.68E-02	<i>MEIG1</i>	-0.403	2.20E-02
<i>LPIN2</i>	0.947	1.68E-02	<i>NMU</i>	-0.420	2.20E-02
<i>KCNE3</i>	0.544	1.68E-02	<i>DSN1</i>	-0.515	2.20E-02
<i>C20orf202</i>	-0.700	1.68E-02	<i>AKR1C3</i>	0.485	2.21E-02
<i>SP100</i>	1.634	1.69E-02	<i>HBA2</i>	0.295	2.21E-02
<i>IFIT1</i>	1.436	1.69E-02	<i>PCDHA5</i>	-0.405	2.21E-02
<i>CTSL1</i>	1.405	1.69E-02	<i>DBIL5P</i>	-0.407	2.21E-02
<i>CD72</i>	1.083	1.69E-02	<i>TAF6</i>	-0.483	2.21E-02
<i>TOR4A</i>	0.961	1.69E-02	<i>TSEN34</i>	-0.485	2.21E-02
<i>SUSD1</i>	0.953	1.69E-02	<i>FGR</i>	0.953	2.22E-02
<i>IRAK2</i>	0.870	1.69E-02	<i>RAC2</i>	0.943	2.22E-02
<i>LEF1</i>	0.584	1.69E-02	<i>STEAP4</i>	0.518	2.22E-02
<i>MGC39372</i>	0.451	1.69E-02	<i>FUT11</i>	0.457	2.22E-02
<i>EGF</i>	-0.478	1.69E-02	<i>ERP27</i>	0.333	2.22E-02

<i>MOK</i>	-0.496	1.69E-02	<i>ZFAT</i>	-0.367	2.22E-02
<i>IQUB</i>	-0.582	1.69E-02	<i>SIRT5</i>	-0.483	2.22E-02
<i>TBC1D19</i>	-0.690	1.69E-02	<i>HJURP</i>	-0.553	2.22E-02
<i>MGMT</i>	-0.696	1.69E-02	<i>ZFPM2</i>	0.643	2.23E-02
<i>GPR183</i>	1.317	1.70E-02	<i>ARRDC4</i>	0.607	2.23E-02
<i>PIK3CG</i>	1.258	1.70E-02	<i>SCG5</i>	0.333	2.23E-02
<i>SLC2A6</i>	1.199	1.70E-02	<i>SOX13</i>	-0.470	2.23E-02
<i>VAX2</i>	-0.651	1.70E-02	<i>PTRHD1</i>	-0.490	2.23E-02
<i>BCORL1</i>	-0.703	1.70E-02	<i>LMBR1</i>	-0.510	2.23E-02
<i>BST2</i>	1.296	1.71E-02	<i>THBS2</i>	0.803	2.24E-02
<i>TM6SF1</i>	1.227	1.71E-02	<i>NCEH1</i>	0.783	2.24E-02
<i>CD28</i>	1.125	1.71E-02	<i>TMEM220</i>	0.303	2.24E-02
<i>FAM43A</i>	0.588	1.71E-02	<i>OGDHL</i>	-0.430	2.24E-02
<i>HS3ST3A1</i>	0.572	1.71E-02	<i>MMP2</i>	0.960	2.25E-02
<i>P2RY12</i>	0.543	1.71E-02	<i>JAZF1</i>	0.740	2.25E-02
<i>RAP1GAP2</i>	-0.520	1.71E-02	<i>CD69</i>	0.723	2.25E-02
<i>NIPAL3</i>	-0.616	1.71E-02	<i>BRF2</i>	-0.428	2.25E-02
<i>SLC29A1</i>	-0.649	1.71E-02	<i>SLC35D3</i>	0.103	2.26E-02
<i>ISG15</i>	1.435	1.72E-02	<i>LOC100288911</i>	-0.467	2.26E-02
<i>GPR34</i>	1.129	1.72E-02	<i>FAM111B</i>	-0.480	2.26E-02
<i>EFHB</i>	-0.500	1.72E-02	<i>C1orf53</i>	-0.495	2.26E-02
<i>BRF2</i>	-0.601	1.72E-02	<i>LOC284440</i>	-0.500	2.26E-02
<i>BSCL2</i>	-0.713	1.72E-02	<i>PTCD3</i>	-0.538	2.26E-02
<i>BTK</i>	1.515	1.73E-02	<i>SAMD9L</i>	0.970	2.27E-02
<i>C1orf54</i>	1.202	1.73E-02	<i>GPR171</i>	0.650	2.27E-02
<i>UCHL1</i>	0.601	1.73E-02	<i>ADTRP</i>	0.305	2.27E-02
<i>MICALCL</i>	-0.585	1.73E-02	<i>STAP2</i>	-0.440	2.27E-02
<i>KLHDC9</i>	-0.717	1.73E-02	<i>NAPB</i>	-0.463	2.27E-02
<i>PARP9</i>	1.835	1.74E-02	<i>MARCKS</i>	0.720	2.28E-02
<i>SH2D2A</i>	1.253	1.74E-02	<i>TRAM2</i>	0.685	2.28E-02
<i>SGK1</i>	1.096	1.74E-02	<i>FAM65B</i>	0.653	2.28E-02
<i>MAX</i>	0.847	1.74E-02	<i>CHST11</i>	0.583	2.28E-02
<i>ADRBK2</i>	0.652	1.74E-02	<i>DAPK1</i>	0.500	2.28E-02
<i>LINC00515</i>	-0.521	1.75E-02	<i>SLC19A3</i>	0.488	2.28E-02
<i>HOXC6</i>	-0.532	1.75E-02	<i>IL12B</i>	0.325	2.28E-02
<i>ZSCAN20</i>	-0.567	1.75E-02	<i>ICAIL</i>	-0.417	2.28E-02
<i>KIAA2022</i>	-0.601	1.75E-02	<i>ZNF695</i>	-0.423	2.28E-02
<i>GLRB</i>	-0.658	1.75E-02	<i>CDPF1</i>	-0.447	2.28E-02
<i>TMEM176A</i>	1.109	1.76E-02	<i>CD48</i>	0.843	2.29E-02
<i>ITM2A</i>	0.939	1.76E-02	<i>AOX1</i>	0.645	2.29E-02
<i>MAP3K14</i>	0.888	1.76E-02	<i>TFPI2</i>	0.430	2.29E-02
<i>MARC2</i>	-0.567	1.76E-02	<i>SPATS2</i>	-0.418	2.29E-02
<i>RBP2</i>	-0.618	1.76E-02	<i>CC2D2A</i>	-0.440	2.29E-02
<i>NFS1</i>	-0.650	1.76E-02	<i>BHLHB9</i>	-0.445	2.29E-02
<i>TMEM106C</i>	-0.677	1.76E-02	<i>PLEK</i>	0.943	2.30E-02
<i>TNRC18</i>	-0.731	1.76E-02	<i>MIR155HG</i>	0.530	2.30E-02
<i>KLRD1</i>	1.461	1.77E-02	<i>ARHGEF9</i>	-0.448	2.30E-02
<i>IL18RAP</i>	1.431	1.77E-02	<i>ZNF282</i>	-0.525	2.30E-02
<i>MARCH1</i>	1.333	1.77E-02	<i>UFSP1</i>	-0.550	2.30E-02
<i>LRRC8C</i>	1.315	1.77E-02	<i>SLC6A6</i>	0.590	2.31E-02
<i>ENPP2</i>	1.031	1.77E-02	<i>C1orf114</i>	-0.388	2.31E-02

<i>MMP3</i>	0.513	1.77E-02	<i>ELK4</i>	-0.480	2.31E-02
<i>PIGL</i>	-0.563	1.77E-02	<i>FAM195B</i>	-0.493	2.31E-02
<i>DIO1</i>	-0.564	1.77E-02	<i>RAE1</i>	-0.520	2.31E-02
<i>SLC7A8</i>	-0.609	1.77E-02	<i>NUP133</i>	-0.560	2.31E-02
<i>FCRL5</i>	0.879	1.78E-02	<i>DKK2</i>	0.393	2.32E-02
<i>KIAA1257</i>	-0.550	1.78E-02	<i>ORAOV1</i>	-0.420	2.32E-02
<i>GCOM1</i>	-0.552	1.78E-02	<i>CPSF7</i>	-0.493	2.33E-02
<i>CTNND2</i>	-0.589	1.78E-02	<i>ADA</i>	0.480	2.34E-02
<i>DET1</i>	-0.663	1.78E-02	<i>AQPEP</i>	0.367	2.34E-02
<i>THEMIS2</i>	1.572	1.79E-02	<i>IDO2</i>	0.277	2.34E-02
<i>VAV1</i>	1.484	1.79E-02	<i>PHKA2</i>	-0.490	2.34E-02
<i>CD27</i>	1.383	1.79E-02	<i>MFAP4</i>	0.848	2.35E-02
<i>AKNA</i>	1.326	1.79E-02	<i>ADH1B</i>	0.700	2.35E-02
<i>PTGS1</i>	0.875	1.79E-02	<i>MYCT1</i>	0.660	2.35E-02
<i>BASP1</i>	0.808	1.79E-02	<i>MCOLN2</i>	0.373	2.35E-02
<i>TPRG1</i>	-0.470	1.79E-02	<i>RGNEF</i>	-0.415	2.35E-02
<i>FAM120B</i>	-0.603	1.79E-02	<i>CLEC4F</i>	-0.450	2.35E-02
<i>FAM124A</i>	-0.653	1.79E-02	<i>TLL2</i>	-0.463	2.35E-02
<i>LAMA5</i>	-0.679	1.79E-02	<i>PATZ1</i>	-0.513	2.35E-02
<i>NCF4</i>	1.716	1.80E-02	<i>DGKE</i>	-0.400	2.36E-02
<i>IL2RG</i>	1.610	1.80E-02	<i>CDCA7L</i>	-0.483	2.36E-02
<i>PTPN7</i>	1.344	1.80E-02	<i>CILP</i>	0.838	2.37E-02
<i>PPP1R16B</i>	1.095	1.80E-02	<i>IL21R</i>	0.680	2.37E-02
<i>CCDC69</i>	0.992	1.80E-02	<i>PDCL2</i>	-0.320	2.37E-02
<i>EPDR1</i>	0.681	1.80E-02	<i>PIK3R2</i>	-0.533	2.37E-02
<i>NINJ2</i>	0.587	1.80E-02	<i>HVCN1</i>	0.693	2.38E-02
<i>LOC100287628</i>	0.531	1.80E-02	<i>PROCR</i>	0.475	2.38E-02
<i>PCDH11X</i>	-0.541	1.80E-02	<i>FCERIA</i>	0.375	2.38E-02
<i>LPA</i>	-0.577	1.80E-02	<i>RAB3C</i>	0.163	2.38E-02
<i>TRAM1L1</i>	-0.617	1.80E-02	<i>AP4M1</i>	-0.455	2.38E-02
<i>SPATA4</i>	-0.666	1.80E-02	<i>NCOA5</i>	-0.490	2.38E-02
<i>DRAM1</i>	1.654	1.81E-02	<i>PILRA</i>	0.790	2.39E-02
<i>BIN2</i>	1.582	1.81E-02	<i>CTSH</i>	0.695	2.39E-02
<i>TNFAIP8L2</i>	1.549	1.81E-02	<i>COMMD7</i>	-0.420	2.39E-02
<i>LAT</i>	1.362	1.81E-02	<i>CENPL</i>	-0.533	2.39E-02
<i>TRAF3IP3</i>	1.296	1.81E-02	<i>METTL10</i>	-0.537	2.39E-02
<i>CAMK2D</i>	1.185	1.81E-02	<i>LILRB4</i>	0.750	2.40E-02
<i>ASS1</i>	0.577	1.81E-02	<i>PNOC</i>	0.500	2.40E-02
<i>ELMOD1</i>	-0.499	1.81E-02	<i>GPR63</i>	-0.423	2.40E-02
<i>CGREF1</i>	-0.572	1.82E-02	<i>SLC22A16</i>	-0.430	2.40E-02
<i>DLG5</i>	-0.623	1.82E-02	<i>RABIF</i>	-0.455	2.40E-02
<i>RBKS</i>	-0.640	1.82E-02	<i>NT5C1B</i>	-0.467	2.40E-02
<i>NAA60</i>	-0.700	1.82E-02	<i>CDK2</i>	-0.493	2.40E-02
<i>SPATA7</i>	-0.726	1.82E-02	<i>C3orf75</i>	-0.523	2.40E-02
<i>TLE4</i>	0.977	1.83E-02	<i>WNT2</i>	0.808	2.41E-02
<i>PLEKHF1</i>	0.933	1.83E-02	<i>TAF5L</i>	-0.438	2.41E-02
<i>C19orf12</i>	0.576	1.83E-02	<i>BNC2</i>	0.813	2.42E-02
<i>HOXA1</i>	0.303	1.83E-02	<i>FAM26E</i>	0.647	2.42E-02
<i>SH2B3</i>	1.437	1.84E-02	<i>VASH1</i>	0.633	2.42E-02
<i>CARD6</i>	1.437	1.84E-02	<i>SLC36A1</i>	0.445	2.42E-02
<i>MSANTD3</i>	0.919	1.84E-02	<i>SEC61A2</i>	-0.418	2.42E-02

<i>PLIN2</i>	0.670	1.84E-02	<i>LSM14B</i>	-0.420	2.42E-02
<i>RPS23</i>	-0.635	1.84E-02	<i>CLCN2</i>	-0.453	2.42E-02
<i>MANBAL</i>	-0.701	1.84E-02	<i>ISYNA1</i>	-0.475	2.42E-02
<i>TCEB2</i>	-0.718	1.84E-02	<i>PLXDC1</i>	0.733	2.43E-02
<i>HAGH</i>	-0.738	1.84E-02	<i>PRSS23</i>	0.720	2.43E-02
<i>HLA-E</i>	1.990	1.85E-02	<i>PLEKHA8</i>	-0.350	2.43E-02
<i>GALNT12</i>	0.456	1.85E-02	<i>MORN3</i>	-0.403	2.43E-02
<i>CCDC40</i>	-0.715	1.85E-02	<i>CCR2</i>	0.830	2.44E-02
<i>HS3ST1</i>	0.360	1.86E-02	<i>CHN1</i>	0.538	2.44E-02
<i>MTMR7</i>	-0.507	1.86E-02	<i>THBS4</i>	0.423	2.44E-02
<i>CES3</i>	-0.634	1.86E-02	<i>KCNE3</i>	0.350	2.44E-02
<i>EIF2D</i>	-0.702	1.86E-02	<i>THSD7B</i>	0.223	2.44E-02
<i>ADPGK</i>	1.073	1.87E-02	<i>TPRG1</i>	0.163	2.44E-02
<i>MSX2</i>	-0.456	1.87E-02	<i>RPP14</i>	-0.448	2.44E-02
<i>RNF43</i>	-0.588	1.87E-02	<i>MYO5A</i>	0.788	2.45E-02
<i>CHIA</i>	-0.697	1.87E-02	<i>ETSI</i>	0.743	2.45E-02
<i>STK17A</i>	1.271	1.88E-02	<i>LIMS1</i>	0.543	2.45E-02
<i>VSTM1</i>	0.241	1.88E-02	<i>STIL</i>	-0.543	2.45E-02
<i>NBR2</i>	-0.588	1.88E-02	<i>GZMK</i>	0.788	2.46E-02
<i>B2M</i>	1.846	1.89E-02	<i>IL15RA</i>	0.713	2.46E-02
<i>MAFB</i>	1.212	1.89E-02	<i>CCDC3</i>	0.613	2.46E-02
<i>CTSZ</i>	1.106	1.89E-02	<i>TP53I3</i>	0.600	2.46E-02
<i>AAR2</i>	-0.619	1.89E-02	<i>C17orf89</i>	-0.530	2.46E-02
<i>ARSD</i>	-0.676	1.89E-02	<i>CMKLR1</i>	0.908	2.47E-02
<i>SPOCK2</i>	1.379	1.90E-02	<i>EFEMP1</i>	0.798	2.47E-02
<i>RNF125</i>	0.584	1.90E-02	<i>ARHGAP18</i>	0.767	2.47E-02
<i>S100A7</i>	0.333	1.90E-02	<i>CLECL1</i>	0.423	2.47E-02
<i>TOM1L2</i>	-0.760	1.90E-02	<i>ANKS1B</i>	-0.423	2.47E-02
<i>NABP1</i>	1.419	1.91E-02	<i>GTPBP5</i>	-0.467	2.47E-02
<i>RHOH</i>	1.111	1.91E-02	<i>DLC1</i>	0.730	2.48E-02
<i>LMO2</i>	0.865	1.91E-02	<i>NAPSB</i>	0.720	2.48E-02
<i>CLEC5A</i>	0.786	1.91E-02	<i>CADM2</i>	-0.400	2.48E-02
<i>MMP20</i>	0.527	1.91E-02	<i>SARNP</i>	-0.440	2.48E-02
<i>PRAME</i>	0.318	1.91E-02	<i>NOP14</i>	-0.518	2.48E-02
<i>DDX53</i>	-0.450	1.91E-02	<i>STK10</i>	0.920	2.49E-02
<i>CMTM2</i>	-0.638	1.91E-02	<i>LAMB1</i>	0.760	2.49E-02
<i>PDZD4</i>	-0.705	1.91E-02	<i>LGALS3</i>	0.745	2.49E-02
<i>TMEM173</i>	1.338	1.92E-02	<i>TOMM34</i>	-0.478	2.49E-02
<i>FCRL1</i>	0.587	1.92E-02	<i>GKAP1</i>	-0.530	2.49E-02
<i>FRMD3</i>	0.415	1.92E-02	<i>ICAM2</i>	0.648	2.50E-02
<i>LYSMD1</i>	-0.537	1.92E-02	<i>FLVCR2</i>	0.535	2.50E-02
<i>LCP1</i>	1.516	1.93E-02	<i>HIST1H2BA</i>	-0.303	2.50E-02
<i>STAT5A</i>	1.113	1.93E-02	<i>FANCC</i>	-0.488	2.50E-02
<i>MOB3B</i>	0.641	1.93E-02	<i>C19orf48</i>	-0.563	2.50E-02
<i>MUC16</i>	0.485	1.93E-02	<i>CHST15</i>	0.643	2.51E-02
<i>JUP</i>	-0.662	1.93E-02	<i>FMNL3</i>	0.607	2.51E-02
<i>MARCO</i>	1.121	1.94E-02	<i>TMEM71</i>	0.547	2.51E-02
<i>IPCEF1</i>	0.859	1.94E-02	<i>KLB</i>	0.273	2.51E-02
<i>OR2L13</i>	-0.452	1.94E-02	<i>BRD8</i>	-0.505	2.51E-02
<i>EPHA6</i>	-0.578	1.94E-02	<i>SMAP2</i>	0.653	2.52E-02
<i>DZANK1</i>	-0.639	1.94E-02	<i>PTPRJ</i>	0.553	2.52E-02

<i>STX1A</i>	-0.694	1.94E-02	<i>CCR6</i>	0.370	2.52E-02
<i>SLC9A9</i>	1.332	1.95E-02	<i>TBR1</i>	-0.445	2.52E-02
<i>C3</i>	1.293	1.95E-02	<i>MARCH9</i>	-0.470	2.52E-02
<i>CD8B</i>	0.971	1.95E-02	<i>YY1AP1</i>	-0.485	2.52E-02
<i>KCNA3</i>	0.867	1.95E-02	<i>NFKBIL1</i>	-0.545	2.52E-02
<i>IL17RB</i>	-0.533	1.95E-02	<i>GBP4</i>	0.703	2.53E-02
<i>ZKSCAN2</i>	-0.542	1.95E-02	<i>MAX</i>	0.525	2.53E-02
<i>MYT1L</i>	-0.576	1.95E-02	<i>RAB3IP</i>	-0.440	2.53E-02
<i>LMLN</i>	-0.599	1.95E-02	<i>ARHGAP24</i>	0.670	2.54E-02
<i>CARD11</i>	1.121	1.96E-02	<i>CLEC2D</i>	0.595	2.54E-02
<i>IL1RAPL1</i>	-0.539	1.96E-02	<i>LEF1</i>	0.358	2.54E-02
<i>FAM19A2</i>	-0.560	1.96E-02	<i>FAM188B</i>	-0.360	2.54E-02
<i>DNM1P46</i>	-0.627	1.96E-02	<i>C21orf88</i>	-0.523	2.54E-02
<i>N6AMT2</i>	-0.640	1.96E-02	<i>HMCN1</i>	0.600	2.55E-02
<i>DDX58</i>	1.441	1.97E-02	<i>NR5A2</i>	0.363	2.55E-02
<i>NAPB</i>	-0.640	1.97E-02	<i>C18orf62</i>	-0.463	2.55E-02
<i>ZC2HC1A</i>	-0.647	1.97E-02	<i>C18orf25</i>	-0.495	2.55E-02
<i>RNF215</i>	-0.675	1.97E-02	<i>PIF1</i>	-0.530	2.55E-02
<i>GPSM1</i>	-0.725	1.97E-02	<i>GINS1</i>	-0.550	2.55E-02
<i>AXDND1</i>	-0.517	1.98E-02	<i>IKZF1</i>	0.828	2.56E-02
<i>EFCAB12</i>	-0.595	1.98E-02	<i>FAM101B</i>	0.453	2.56E-02
<i>CPA1</i>	-0.603	1.98E-02	<i>SCML4</i>	0.540	2.57E-02
<i>SFXN2</i>	-0.665	1.98E-02	<i>IQCF1</i>	-0.440	2.57E-02
<i>SP110</i>	1.661	1.99E-02	<i>TTY12</i>	-0.490	2.57E-02
<i>CDH3</i>	0.739	1.99E-02	<i>YAE1D1</i>	-0.517	2.57E-02
<i>GTDC1</i>	0.721	1.99E-02	<i>PRR7</i>	-0.518	2.57E-02
<i>FUT11</i>	0.618	1.99E-02	<i>F2R</i>	0.685	2.58E-02
<i>CTXN1</i>	-0.751	1.99E-02	<i>PLA1A</i>	0.470	2.58E-02
<i>OXNAD1</i>	1.066	2.00E-02	<i>TIMP4</i>	0.388	2.58E-02
<i>PTPRJ</i>	0.824	2.00E-02	<i>PLEKHH1</i>	-0.443	2.58E-02
<i>ROPN1B</i>	0.167	2.00E-02	<i>MPP6</i>	-0.475	2.58E-02
<i>SH3BP4</i>	-0.585	2.00E-02	<i>HMOX1</i>	0.695	2.59E-02
<i>PCGF3</i>	-0.601	2.00E-02	<i>SGCZ</i>	-0.367	2.59E-02
<i>FLJ39653</i>	-0.678	2.00E-02	<i>RND2</i>	-0.485	2.59E-02
<i>MOSPD3</i>	-0.753	2.00E-02	<i>MFNG</i>	0.695	2.60E-02
<i>STK17B</i>	1.610	2.01E-02	<i>CD247</i>	0.668	2.60E-02
<i>SLAMF6</i>	1.211	2.01E-02	<i>TRAT1</i>	0.570	2.60E-02
<i>ZNF831</i>	0.737	2.01E-02	<i>CIDEC</i>	0.498	2.60E-02
<i>B3GNT1</i>	-0.667	2.01E-02	<i>SEPT8</i>	0.470	2.60E-02
<i>EGFL8</i>	-0.733	2.01E-02	<i>AKR1C2</i>	0.298	2.60E-02
<i>FAS</i>	1.465	2.02E-02	<i>NLRP2</i>	0.133	2.60E-02
<i>CCL28</i>	0.344	2.02E-02	<i>TMEM216</i>	-0.393	2.60E-02
<i>KLHL32</i>	-0.494	2.02E-02	<i>KIAA0101</i>	-0.548	2.60E-02
<i>OTUB2</i>	-0.533	2.02E-02	<i>ZCCHC24</i>	0.873	2.61E-02
<i>LRRN2</i>	-0.682	2.02E-02	<i>GALC</i>	0.730	2.61E-02
<i>RAB20</i>	0.851	2.03E-02	<i>LPCAT2</i>	0.690	2.61E-02
<i>FAXC</i>	-0.572	2.03E-02	<i>LACC1</i>	0.657	2.61E-02
<i>ACP6</i>	-0.579	2.03E-02	<i>FEZ1</i>	0.625	2.61E-02
<i>HLA-B</i>	1.910	2.04E-02	<i>FGD5</i>	0.593	2.61E-02
<i>NMI</i>	1.822	2.04E-02	<i>FKBP5</i>	0.420	2.61E-02
<i>IL12RB1</i>	1.380	2.04E-02	<i>DLL1</i>	0.367	2.61E-02

<i>FMO3</i>	0.559	2.04E-02	<i>CCDC152</i>	0.297	2.61E-02
<i>NMNAT1</i>	-0.577	2.04E-02	<i>NLGN4X</i>	0.268	2.61E-02
<i>RPL23AP32</i>	-0.603	2.04E-02	<i>LOC100128893</i>	-0.437	2.61E-02
<i>ZFP14</i>	-0.632	2.04E-02	<i>MED25</i>	-0.495	2.61E-02
<i>CTSW</i>	1.000	2.05E-02	<i>THY1</i>	0.890	2.62E-02
<i>CCL23</i>	0.573	2.05E-02	<i>TGFB3</i>	0.783	2.62E-02
<i>DNAJC22</i>	-0.495	2.05E-02	<i>STX6</i>	-0.455	2.62E-02
<i>ZNF434</i>	-0.557	2.05E-02	<i>IFITM2</i>	0.810	2.63E-02
<i>RPS6KL1</i>	-0.664	2.05E-02	<i>COLEC12</i>	0.635	2.63E-02
<i>MMP9</i>	0.960	2.06E-02	<i>TAC1</i>	0.230	2.63E-02
<i>AGPAT9</i>	0.596	2.06E-02	<i>SLC29A2</i>	-0.500	2.63E-02
<i>RDH10</i>	0.555	2.06E-02	<i>EMX2</i>	0.340	2.64E-02
<i>TIGD4</i>	-0.580	2.06E-02	<i>HLA-DQA1</i>	0.375	2.65E-02
<i>RILPL1</i>	-0.645	2.06E-02	<i>LOC285696</i>	-0.417	2.65E-02
<i>LCMT2</i>	-0.646	2.06E-02	<i>RMND5A</i>	-0.475	2.65E-02
<i>TYROBP</i>	1.741	2.07E-02	<i>THEMIS2</i>	0.805	2.66E-02
<i>PRDM1</i>	1.467	2.07E-02	<i>TAGAP</i>	0.743	2.66E-02
<i>SPIB</i>	1.181	2.07E-02	<i>CD8A</i>	0.675	2.66E-02
<i>C11orf75</i>	0.794	2.07E-02	<i>PLEKHG4</i>	-0.383	2.66E-02
<i>MARCH9</i>	-0.651	2.07E-02	<i>SULF1</i>	0.783	2.67E-02
<i>ITGB2</i>	1.713	2.08E-02	<i>TAS2R5</i>	-0.383	2.67E-02
<i>HLA-G</i>	1.428	2.08E-02	<i>PLAU</i>	0.758	2.68E-02
<i>AR</i>	-0.565	2.08E-02	<i>CD226</i>	0.495	2.68E-02
<i>FAM189A2</i>	-0.601	2.08E-02	<i>COL4A4</i>	0.430	2.68E-02
<i>GRHL2</i>	-0.620	2.08E-02	<i>NCAM2</i>	0.270	2.68E-02
<i>ENTPDI</i>	1.316	2.09E-02	<i>TMEM163</i>	0.147	2.68E-02
<i>CYP1B1</i>	0.939	2.09E-02	<i>EPS15L1</i>	-0.415	2.69E-02
<i>CH25H</i>	0.777	2.09E-02	<i>C15orf61</i>	-0.477	2.69E-02
<i>DUSP4</i>	-0.539	2.09E-02	<i>ERI3</i>	-0.518	2.69E-02
<i>HSD17B8</i>	-0.700	2.09E-02	<i>SKA3</i>	-0.547	2.69E-02
<i>VNN2</i>	1.255	2.10E-02	<i>RAB31</i>	0.858	2.70E-02
<i>SLA2</i>	1.203	2.10E-02	<i>PRKCB</i>	0.700	2.70E-02
<i>IGF2BP3</i>	0.563	2.10E-02	<i>ANPEP</i>	0.568	2.70E-02
<i>WFDC2</i>	0.486	2.10E-02	<i>ABCG5</i>	-0.450	2.70E-02
<i>NR1I3</i>	-0.549	2.10E-02	<i>FLRT2</i>	0.723	2.71E-02
<i>BDNF</i>	-0.554	2.10E-02	<i>PAG1</i>	0.593	2.71E-02
<i>C1QTNF3</i>	-0.634	2.10E-02	<i>IL6R</i>	0.535	2.71E-02
<i>PLSCR1</i>	1.739	2.11E-02	<i>KLHL10</i>	-0.390	2.71E-02
<i>DPP4</i>	0.569	2.11E-02	<i>SYT4</i>	-0.430	2.71E-02
<i>CCNA1</i>	0.353	2.11E-02	<i>EMD</i>	-0.468	2.71E-02
<i>ZNF621</i>	-0.627	2.11E-02	<i>NPC2</i>	0.935	2.72E-02
<i>SELENBP1</i>	-0.640	2.11E-02	<i>C6orf58</i>	-0.427	2.72E-02
<i>NFIC</i>	-0.649	2.11E-02	<i>C5orf64</i>	-0.440	2.72E-02
<i>LLGL2</i>	-0.653	2.11E-02	<i>EPHB3</i>	-0.485	2.72E-02
<i>OASL</i>	1.468	2.12E-02	<i>PIDD</i>	-0.550	2.72E-02
<i>CFI</i>	0.972	2.12E-02	<i>GLIS2</i>	0.560	2.73E-02
<i>TLR10</i>	0.953	2.12E-02	<i>KCNIP4</i>	-0.460	2.73E-02
<i>CLMN</i>	-0.524	2.12E-02	<i>ATP6V1B2</i>	0.915	2.74E-02
<i>UGGT2</i>	-0.616	2.12E-02	<i>PTPRM</i>	0.818	2.74E-02
<i>ZNF467</i>	-0.722	2.12E-02	<i>AEBP1</i>	0.798	2.74E-02
<i>CCRL2</i>	1.115	2.13E-02	<i>TMC8</i>	0.763	2.74E-02

<i>PTPLAD2</i>	1.100	2.13E-02	<i>IL2RB</i>	0.700	2.74E-02
<i>MUMIL1</i>	-0.530	2.13E-02	<i>INPP1</i>	0.590	2.74E-02
<i>ZNF415</i>	-0.583	2.13E-02	<i>CSGALNACT1</i>	0.568	2.74E-02
<i>PCBP4</i>	-0.676	2.13E-02	<i>C2orf74</i>	0.557	2.74E-02
<i>FBXW9</i>	-0.752	2.13E-02	<i>ZBTB37</i>	-0.430	2.74E-02
<i>IFI30</i>	1.696	2.14E-02	<i>GPRC6A</i>	-0.483	2.74E-02
<i>LY86</i>	1.563	2.14E-02	<i>POLQ</i>	-0.550	2.74E-02
<i>CHN1</i>	0.777	2.14E-02	<i>CSTA</i>	0.548	2.75E-02
<i>PRKX</i>	0.609	2.14E-02	<i>TMEM154</i>	0.477	2.75E-02
<i>ZCCHC18</i>	0.584	2.14E-02	<i>ARHGEF5</i>	-0.383	2.75E-02
<i>BMP2K</i>	1.073	2.15E-02	<i>TRAF4</i>	-0.470	2.75E-02
<i>HAPLN3</i>	0.988	2.15E-02	<i>MED26</i>	-0.450	2.76E-02
<i>CYP27C1</i>	0.323	2.15E-02	<i>DDX11</i>	-0.523	2.77E-02
<i>LIN7A</i>	-0.466	2.15E-02	<i>ZEB1</i>	0.878	2.78E-02
<i>SGK2</i>	-0.573	2.15E-02	<i>IGFBP7</i>	0.858	2.78E-02
<i>PLEKHG3</i>	-0.603	2.15E-02	<i>CTHRC1</i>	0.580	2.78E-02
<i>RAPH1</i>	-0.669	2.15E-02	<i>GJA1</i>	0.533	2.78E-02
<i>PTDSS2</i>	-0.699	2.15E-02	<i>RBKS</i>	-0.440	2.78E-02
<i>TTC3</i>	-0.778	2.15E-02	<i>HEPH</i>	0.535	2.79E-02
<i>ICAM3</i>	1.223	2.16E-02	<i>SHOX2</i>	0.363	2.79E-02
<i>APOC2</i>	0.839	2.16E-02	<i>LINC00467</i>	-0.430	2.79E-02
<i>NFIX</i>	-0.658	2.16E-02	<i>NAPEPLD</i>	-0.500	2.79E-02
<i>SOCS1</i>	0.980	2.17E-02	<i>UBN2</i>	-0.517	2.79E-02
<i>TBC1D4</i>	0.656	2.17E-02	<i>SLIT3</i>	0.850	2.80E-02
<i>C7orf31</i>	0.610	2.17E-02	<i>WISP2</i>	0.758	2.80E-02
<i>SH3BP5L</i>	-0.621	2.17E-02	<i>CTTNBP2</i>	0.277	2.80E-02
<i>MUT</i>	-0.758	2.17E-02	<i>SPECC1</i>	0.197	2.80E-02
<i>MEOX1</i>	0.437	2.18E-02	<i>SCGB1D1</i>	-0.400	2.80E-02
<i>SIGLEC1</i>	1.565	2.19E-02	<i>SELRC1</i>	-0.495	2.80E-02
<i>PSME2</i>	1.469	2.19E-02	<i>NR3C1</i>	0.965	2.81E-02
<i>NLRP11</i>	-0.464	2.19E-02	<i>FGFR2</i>	-0.420	2.81E-02
<i>OR3A2</i>	-0.546	2.19E-02	<i>ESRRB</i>	-0.487	2.81E-02
<i>ADCK1</i>	-0.614	2.19E-02	<i>CELF4</i>	-0.537	2.81E-02
<i>TNP2</i>	-0.653	2.19E-02	<i>IL2RG</i>	0.813	2.82E-02
<i>SNHG8</i>	-0.685	2.19E-02	<i>KLRB1</i>	0.693	2.82E-02
<i>DERL3</i>	0.983	2.20E-02	<i>COX7A1</i>	0.693	2.82E-02
<i>PDPN</i>	0.883	2.20E-02	<i>MMP9</i>	0.585	2.82E-02
<i>TXK</i>	0.648	2.20E-02	<i>LACE1</i>	-0.347	2.82E-02
<i>SSBP2</i>	-0.677	2.20E-02	<i>ZNF35</i>	-0.390	2.82E-02
<i>TMEM61</i>	-0.682	2.20E-02	<i>VAMP5</i>	0.803	2.83E-02
<i>RNF213</i>	1.444	2.21E-02	<i>PSPH</i>	-0.448	2.83E-02
<i>C2orf74</i>	0.821	2.21E-02	<i>SYNPR</i>	-0.450	2.83E-02
<i>ARHGAP42</i>	0.816	2.21E-02	<i>FAM64A</i>	-0.528	2.83E-02
<i>STK11IP</i>	-0.682	2.21E-02	<i>CD3G</i>	0.633	2.85E-02
<i>TCEA2</i>	-0.728	2.21E-02	<i>CCDC43</i>	-0.500	2.85E-02
<i>HCK</i>	1.694	2.22E-02	<i>COL1A1</i>	0.843	2.86E-02
<i>ITGB7</i>	1.338	2.22E-02	<i>KCNJ8</i>	0.650	2.86E-02
<i>CD200R1</i>	0.647	2.22E-02	<i>TDRKH</i>	-0.400	2.86E-02
<i>CXCL3</i>	0.600	2.22E-02	<i>BTLA</i>	0.440	2.87E-02
<i>ZNF862</i>	-0.780	2.22E-02	<i>HIST1H2AE</i>	-0.335	2.87E-02
<i>LAIR1</i>	1.622	2.23E-02	<i>CREB3L4</i>	-0.473	2.87E-02

<i>DDX60L</i>	1.573	2.23E-02	<i>KIF23</i>	-0.543	2.87E-02
<i>DEPDC7</i>	0.439	2.23E-02	<i>B2M</i>	0.978	2.88E-02
<i>CBY1</i>	-0.634	2.23E-02	<i>FRMD4B</i>	0.568	2.89E-02
<i>GLIS1</i>	-0.700	2.23E-02	<i>SLC27A5</i>	-0.510	2.89E-02
<i>CD19</i>	0.998	2.24E-02	<i>C15orf23</i>	-0.530	2.89E-02
<i>FMNL3</i>	0.909	2.24E-02	<i>PCDHGB7</i>	-0.327	2.90E-02
<i>ACMSD</i>	-0.541	2.24E-02	<i>NLRP11</i>	-0.333	2.90E-02
<i>WASL</i>	-0.646	2.24E-02	<i>HIST1H1D</i>	-0.405	2.90E-02
<i>ZNF821</i>	-0.718	2.24E-02	<i>ZFP41</i>	-0.407	2.90E-02
<i>MDFIC</i>	1.063	2.25E-02	<i>PP7080</i>	-0.420	2.90E-02
<i>CD1E</i>	0.764	2.25E-02	<i>LOC100130557</i>	-0.470	2.90E-02
<i>PGBD5</i>	0.367	2.25E-02	<i>GULP1</i>	0.560	2.91E-02
<i>PDE3A</i>	-0.485	2.25E-02	<i>FBLN7</i>	0.373	2.91E-02
<i>SCGB2A2</i>	-0.525	2.25E-02	<i>NKD2</i>	0.350	2.91E-02
<i>MRO</i>	-0.583	2.25E-02	<i>MED20</i>	-0.428	2.91E-02
<i>GPRC5C</i>	-0.648	2.25E-02	<i>ZNF707</i>	-0.470	2.91E-02
<i>PRNT</i>	-0.686	2.25E-02	<i>EWSR1</i>	-0.495	2.91E-02
<i>HELB</i>	0.644	2.26E-02	<i>PCOLCE2</i>	0.255	2.92E-02
<i>SLC7A6OS</i>	0.510	2.26E-02	<i>INO80C</i>	-0.433	2.92E-02
<i>C5orf46</i>	0.509	2.26E-02	<i>KCNG3</i>	-0.463	2.92E-02
<i>LYPD6B</i>	-0.491	2.26E-02	<i>ALDH1A3</i>	0.423	2.93E-02
<i>WIBG</i>	-0.639	2.26E-02	<i>NHS</i>	0.343	2.93E-02
<i>A1BG</i>	-0.659	2.26E-02	<i>RCAN3</i>	-0.333	2.93E-02
<i>CELSR3</i>	-0.682	2.26E-02	<i>ZNF704</i>	-0.427	2.93E-02
<i>IFI6</i>	1.210	2.27E-02	<i>LATS1</i>	-0.438	2.93E-02
<i>VNN1</i>	0.714	2.27E-02	<i>FAM195A</i>	-0.540	2.93E-02
<i>PIM1</i>	0.629	2.27E-02	<i>CMAHP</i>	0.545	2.94E-02
<i>C1S</i>	1.622	2.28E-02	<i>PURB</i>	-0.443	2.94E-02
<i>FGD2</i>	1.609	2.28E-02	<i>C17orf80</i>	-0.450	2.94E-02
<i>DENND2D</i>	1.005	2.28E-02	<i>CCR7</i>	0.690	2.95E-02
<i>FOXQ1</i>	0.428	2.28E-02	<i>CX3CR1</i>	0.538	2.95E-02
<i>UTS2D</i>	0.218	2.28E-02	<i>GPR18</i>	0.535	2.95E-02
<i>RIMKLA</i>	-0.696	2.28E-02	<i>THEMIS</i>	0.493	2.95E-02
<i>ZC3H12C</i>	1.132	2.29E-02	<i>PLA2G16</i>	0.440	2.95E-02
<i>EIF2AK2</i>	1.043	2.29E-02	<i>RGS9</i>	-0.388	2.95E-02
<i>ERP44</i>	0.902	2.29E-02	<i>MT3</i>	-0.433	2.95E-02
<i>SLC12A2</i>	-0.628	2.29E-02	<i>ADAM32</i>	-0.367	2.96E-02
<i>MFNG</i>	1.128	2.30E-02	<i>MYEOV2</i>	-0.420	2.96E-02
<i>CCDC19</i>	-0.602	2.30E-02	<i>NDUFAF5</i>	-0.463	2.96E-02
<i>ZNF777</i>	-0.623	2.30E-02	<i>RIMKLA</i>	-0.493	2.96E-02
<i>ZNF252P-AS1</i>	-0.638	2.30E-02	<i>TLR1</i>	0.800	2.97E-02
<i>SBNO1</i>	-0.732	2.30E-02	<i>EMP1</i>	0.773	2.97E-02
<i>SLC2A3</i>	1.171	2.31E-02	<i>P2RY6</i>	0.603	2.97E-02
<i>RNASE1</i>	0.999	2.31E-02	<i>BDKRB2</i>	0.495	2.97E-02
<i>FAR2</i>	0.534	2.31E-02	<i>IDI2</i>	-0.370	2.97E-02
<i>C5orf45</i>	-0.686	2.32E-02	<i>TRMT10A</i>	-0.487	2.97E-02
<i>KIAA1683</i>	-0.738	2.32E-02	<i>H1FO</i>	-0.368	2.98E-02
<i>TNFRSF9</i>	1.244	2.33E-02	<i>LACTB</i>	0.877	2.99E-02
<i>CTSH</i>	1.076	2.33E-02	<i>MX2</i>	0.698	2.99E-02
<i>ALDH2</i>	0.971	2.33E-02	<i>TNIK</i>	0.385	2.99E-02
<i>LGSN</i>	-0.462	2.33E-02	<i>SLC39A4</i>	-0.495	2.99E-02

<i>CYB5RL</i>	-0.621	2.33E-02	<i>MYPOP</i>	-0.510	2.99E-02
<i>SUOX</i>	-0.645	2.33E-02	<i>DCST1</i>	-0.517	2.99E-02
<i>SPRYD3</i>	-0.659	2.33E-02	<i>SP140</i>	0.660	3.00E-02
<i>KIAA0195</i>	-0.739	2.33E-02	<i>LAIR2</i>	0.323	3.00E-02
<i>ERAP1</i>	1.281	2.34E-02	<i>C12orf55</i>	-0.350	3.00E-02
<i>STAR</i>	0.396	2.34E-02	<i>CCDC169</i>	-0.437	3.00E-02
<i>MOCOS</i>	0.384	2.34E-02	<i>YPEL1</i>	-0.468	3.00E-02
<i>C11orf45</i>	0.247	2.34E-02	<i>AP1M2</i>	-0.503	3.00E-02
<i>SYNC</i>	-0.624	2.34E-02	<i>MAMDC2</i>	0.417	3.01E-02
<i>KIAA1107</i>	-0.698	2.34E-02	<i>EGR3</i>	0.393	3.01E-02
<i>RHBDF1</i>	-0.713	2.34E-02	<i>COL6A5</i>	0.213	3.01E-02
<i>SPECC1</i>	0.308	2.35E-02	<i>IGLL1</i>	0.205	3.01E-02
<i>ZNF560</i>	0.194	2.35E-02	<i>TOM1L1</i>	-0.460	3.01E-02
<i>APOF</i>	-0.499	2.35E-02	<i>UNC5B</i>	0.393	3.02E-02
<i>CELSR2</i>	-0.642	2.35E-02	<i>CLN8</i>	0.298	3.02E-02
<i>RGS19</i>	1.288	2.36E-02	<i>HOXB6</i>	0.130	3.02E-02
<i>RGL4</i>	0.628	2.36E-02	<i>C18orf21</i>	-0.470	3.02E-02
<i>ZSWIM2</i>	-0.530	2.37E-02	<i>FAM136A</i>	-0.520	3.02E-02
<i>CDHR3</i>	-0.564	2.37E-02	<i>SMARCC1</i>	-0.525	3.02E-02
<i>ATP5S</i>	-0.641	2.37E-02	<i>RCAN2</i>	0.668	3.03E-02
<i>RASSF2</i>	1.211	2.38E-02	<i>FMO3</i>	0.358	3.03E-02
<i>LOC728613</i>	-0.455	2.38E-02	<i>GSG2</i>	-0.533	3.03E-02
<i>HOXB5</i>	-0.552	2.38E-02	<i>KLRG1</i>	0.540	3.04E-02
<i>CNPY4</i>	-0.588	2.38E-02	<i>MMEL1</i>	-0.443	3.04E-02
<i>DSEL</i>	-0.590	2.38E-02	<i>C20orf132</i>	-0.453	3.04E-02
<i>MPV17L</i>	-0.704	2.38E-02	<i>YOD1</i>	-0.460	3.04E-02
<i>MS4A1</i>	1.160	2.39E-02	<i>GYPC</i>	0.653	3.05E-02
<i>OBSL1</i>	-0.666	2.39E-02	<i>CLIC6</i>	0.323	3.05E-02
<i>PPOX</i>	-0.699	2.39E-02	<i>KIAA1383</i>	-0.360	3.05E-02
<i>LRRK2</i>	1.148	2.40E-02	<i>OTUD7B</i>	-0.408	3.05E-02
<i>CR2</i>	0.525	2.40E-02	<i>SETD4</i>	-0.418	3.05E-02
<i>KCTD4</i>	-0.511	2.40E-02	<i>DHX35</i>	-0.445	3.05E-02
<i>TCP10L</i>	-0.559	2.40E-02	<i>THEM6</i>	-0.488	3.05E-02
<i>DFNB31</i>	-0.646	2.40E-02	<i>MSH5</i>	-0.510	3.05E-02
<i>DDX60</i>	1.695	2.41E-02	<i>PMP22</i>	0.745	3.06E-02
<i>NT5E</i>	0.906	2.41E-02	<i>CAMK2D</i>	0.660	3.07E-02
<i>C10orf11</i>	0.627	2.41E-02	<i>LINC00471</i>	-0.353	3.07E-02
<i>TM4SF18</i>	0.590	2.41E-02	<i>TNNT1</i>	-0.375	3.08E-02
<i>PKNOX1</i>	-0.495	2.41E-02	<i>TMEM99</i>	-0.417	3.08E-02
<i>SLC25A21</i>	-0.524	2.41E-02	<i>HMHA1</i>	0.793	3.09E-02
<i>RPRML</i>	-0.653	2.41E-02	<i>IGFBP4</i>	0.728	3.09E-02
<i>RILPL2</i>	0.943	2.42E-02	<i>MAGEA4</i>	0.125	3.09E-02
<i>LINC00476</i>	-0.519	2.42E-02	<i>SLC46A3</i>	0.760	3.10E-02
<i>SLC35E2</i>	-0.589	2.42E-02	<i>COL4A1</i>	0.755	3.10E-02
<i>NME4</i>	-0.699	2.42E-02	<i>FYCO1</i>	0.608	3.10E-02
<i>TMEM140</i>	1.592	2.43E-02	<i>RASA3</i>	0.598	3.10E-02
<i>IL4R</i>	1.349	2.43E-02	<i>APOD</i>	0.578	3.10E-02
<i>CD47</i>	1.121	2.43E-02	<i>LTF</i>	0.343	3.10E-02
<i>ODAM</i>	0.431	2.43E-02	<i>HEATR4</i>	-0.357	3.10E-02
<i>MSMB</i>	-0.453	2.43E-02	<i>DEMI</i>	-0.380	3.10E-02
<i>FAM20B</i>	-0.651	2.43E-02	<i>STOM</i>	0.680	3.11E-02

<i>C16orf53</i>	-0.668	2.43E-02	<i>CXCL9</i>	0.645	3.11E-02
<i>NSUN5P2</i>	-0.734	2.43E-02	<i>BANK1</i>	0.470	3.11E-02
<i>GPR133</i>	0.464	2.44E-02	<i>LRRC2</i>	0.235	3.11E-02
<i>DYDC2</i>	-0.507	2.44E-02	<i>GOLT1A</i>	-0.430	3.11E-02
<i>PEBP1</i>	-0.700	2.44E-02	<i>ZNF621</i>	-0.437	3.11E-02
<i>SLC7A4</i>	-0.737	2.44E-02	<i>ATAD5</i>	-0.533	3.11E-02
<i>REEP2</i>	-0.750	2.44E-02	<i>RASAL3</i>	0.810	3.12E-02
<i>ADAM28</i>	0.914	2.45E-02	<i>MS4A14</i>	0.487	3.12E-02
<i>TRIM5</i>	0.884	2.45E-02	<i>MMP12</i>	0.390	3.12E-02
<i>CTHRC1</i>	0.864	2.45E-02	<i>TEX12</i>	-0.313	3.12E-02
<i>DNAJC27</i>	-0.660	2.45E-02	<i>LGALS1</i>	-0.373	3.12E-02
<i>SCAMP4</i>	-0.683	2.45E-02	<i>DCAF4</i>	-0.390	3.12E-02
<i>C16orf13</i>	-0.764	2.45E-02	<i>PPP1R3D</i>	-0.410	3.12E-02
<i>HLA-DOA</i>	1.548	2.46E-02	<i>APOL3</i>	0.785	3.13E-02
<i>KLHL11</i>	-0.610	2.46E-02	<i>CPNE8</i>	0.560	3.13E-02
<i>IZUMO4</i>	-0.702	2.46E-02	<i>ETS2</i>	0.518	3.13E-02
<i>SLC18B1</i>	0.813	2.47E-02	<i>DCAF17</i>	-0.518	3.13E-02
<i>SMARCC2</i>	-0.730	2.47E-02	<i>RPL36</i>	-0.523	3.13E-02
<i>NR2F6</i>	-0.743	2.47E-02	<i>PRPF19</i>	-0.528	3.13E-02
<i>AIF1</i>	1.776	2.48E-02	<i>DDX60L</i>	0.813	3.14E-02
<i>TMEM132B</i>	-0.491	2.48E-02	<i>TNC</i>	0.655	3.14E-02
<i>RSAD1</i>	-0.669	2.48E-02	<i>GATM</i>	0.405	3.14E-02
<i>SH3GL1</i>	-0.708	2.48E-02	<i>TCF7</i>	0.358	3.14E-02
<i>TAPBPL</i>	1.124	2.49E-02	<i>DHX57</i>	-0.413	3.14E-02
<i>MATN3</i>	-0.523	2.49E-02	<i>HCST</i>	0.767	3.15E-02
<i>OBFC1</i>	-0.587	2.49E-02	<i>PRF1</i>	0.708	3.15E-02
<i>PAQR6</i>	-0.646	2.49E-02	<i>ABLIM3</i>	0.590	3.15E-02
<i>FOXH1</i>	-0.744	2.49E-02	<i>CD274</i>	0.567	3.15E-02
<i>POLL</i>	-0.755	2.49E-02	<i>WDR31</i>	-0.353	3.15E-02
<i>TTL3</i>	-0.766	2.49E-02	<i>CCNB3</i>	-0.403	3.15E-02
<i>CD300A</i>	1.482	2.50E-02	<i>TRIM45</i>	-0.438	3.15E-02
<i>HENMT1</i>	0.505	2.50E-02	<i>SUGP2</i>	-0.495	3.15E-02
<i>UBE2QL1</i>	0.387	2.50E-02	<i>RFC2</i>	-0.555	3.15E-02
<i>NEURL2</i>	-0.599	2.50E-02	<i>MAN2A1</i>	0.670	3.16E-02
<i>BCL9</i>	-0.600	2.50E-02	<i>TBRG1</i>	0.627	3.16E-02
<i>SLCO2B1</i>	1.389	2.51E-02	<i>CR1</i>	0.618	3.16E-02
<i>CTSL2</i>	0.485	2.51E-02	<i>IFI27</i>	0.585	3.16E-02
<i>PCDHB5</i>	-0.467	2.51E-02	<i>UBD</i>	0.485	3.16E-02
<i>WDFY4</i>	1.362	2.53E-02	<i>CLEC5A</i>	0.455	3.16E-02
<i>LXN</i>	0.851	2.53E-02	<i>GLDN</i>	0.287	3.16E-02
<i>INPP4A</i>	0.849	2.53E-02	<i>CNIH3</i>	0.235	3.16E-02
<i>PLTP</i>	0.829	2.53E-02	<i>LCE1E</i>	-0.450	3.16E-02
<i>TES</i>	0.778	2.53E-02	<i>TIMM10</i>	-0.538	3.16E-02
<i>IER5</i>	0.778	2.53E-02	<i>SYNDIG1</i>	0.515	3.17E-02
<i>NLGN4Y</i>	-0.485	2.53E-02	<i>MRPL55</i>	-0.540	3.17E-02
<i>PCDH9</i>	-0.533	2.53E-02	<i>PALLD</i>	0.780	3.18E-02
<i>CKB</i>	-0.561	2.53E-02	<i>AIM2</i>	0.620	3.18E-02
<i>CCDC169</i>	-0.601	2.53E-02	<i>MYO1D</i>	0.515	3.18E-02
<i>TMC4</i>	-0.685	2.53E-02	<i>FAAH2</i>	-0.393	3.18E-02
<i>ZNF598</i>	-0.779	2.53E-02	<i>HIST1H1A</i>	-0.468	3.18E-02
<i>LAYN</i>	0.917	2.54E-02	<i>VIM</i>	0.885	3.19E-02

<i>VTN</i>	-0.588	2.54E-02	<i>LATS2</i>	0.800	3.19E-02
<i>DNASE1L3</i>	0.599	2.55E-02	<i>HERPUD1</i>	0.758	3.19E-02
<i>ADTRP</i>	0.382	2.55E-02	<i>RNF130</i>	0.675	3.19E-02
<i>ADAMTS17</i>	-0.550	2.55E-02	<i>CNN2</i>	0.670	3.19E-02
<i>FRY</i>	-0.660	2.55E-02	<i>LAMA2</i>	0.643	3.19E-02
<i>CHST12</i>	0.769	2.56E-02	<i>ITSN1</i>	0.600	3.19E-02
<i>IL1R2</i>	0.663	2.56E-02	<i>LRP2BP</i>	-0.380	3.19E-02
<i>SPATA17</i>	-0.500	2.56E-02	<i>CHMP4C</i>	-0.393	3.19E-02
<i>ATP9B</i>	-0.516	2.56E-02	<i>APBA2</i>	-0.398	3.19E-02
<i>KCNJ11</i>	-0.559	2.56E-02	<i>NXT1</i>	-0.510	3.19E-02
<i>SUMF2</i>	-0.569	2.56E-02	<i>DPEP2</i>	0.740	3.20E-02
<i>CASP4</i>	1.572	2.57E-02	<i>ITPRIPL2</i>	0.603	3.20E-02
<i>CCDC109B</i>	1.015	2.57E-02	<i>CASP8</i>	0.513	3.20E-02
<i>RTN1</i>	0.537	2.57E-02	<i>EDNRB</i>	0.468	3.20E-02
<i>HSF5</i>	0.289	2.57E-02	<i>TP53RK</i>	-0.470	3.20E-02
<i>C1orf204</i>	-0.556	2.57E-02	<i>GOLGA2P5</i>	-0.473	3.20E-02
<i>SEC14L2</i>	-0.604	2.57E-02	<i>RABGAP1L</i>	0.650	3.21E-02
<i>VSIG4</i>	1.221	2.58E-02	<i>ELMO3</i>	-0.478	3.21E-02
<i>EPHX3</i>	0.567	2.58E-02	<i>MACROD1</i>	-0.508	3.21E-02
<i>HCG27</i>	0.528	2.58E-02	<i>SNORD114-3</i>	0.247	3.22E-02
<i>SPR</i>	-0.650	2.58E-02	<i>NOL4</i>	-0.403	3.22E-02
<i>FUK</i>	-0.727	2.58E-02	<i>FN3K</i>	-0.420	3.22E-02
<i>RASAL3</i>	1.505	2.59E-02	<i>NCAPD3</i>	-0.520	3.22E-02
<i>PARVG</i>	1.406	2.59E-02	<i>PRDM1</i>	0.750	3.23E-02
<i>SH2D1A</i>	1.229	2.59E-02	<i>PPM1L</i>	-0.300	3.23E-02
<i>STK32B</i>	-0.494	2.60E-02	<i>COX8C</i>	-0.367	3.23E-02
<i>ANKMY1</i>	-0.558	2.60E-02	<i>PRDM13</i>	-0.425	3.23E-02
<i>SARNP</i>	-0.590	2.60E-02	<i>POU2F1</i>	-0.453	3.23E-02
<i>MARCKS</i>	1.065	2.61E-02	<i>HCK</i>	0.860	3.24E-02
<i>TTC39B</i>	0.506	2.61E-02	<i>A2M</i>	0.713	3.24E-02
<i>PHF7</i>	-0.550	2.61E-02	<i>KLHL29</i>	0.367	3.24E-02
<i>PVT1</i>	-0.587	2.61E-02	<i>MSX2</i>	0.160	3.24E-02
<i>BHLHB9</i>	-0.587	2.61E-02	<i>IQCH</i>	-0.400	3.24E-02
<i>ZNF839</i>	-0.650	2.61E-02	<i>EFNA1</i>	-0.408	3.24E-02
<i>IFIT5</i>	1.411	2.62E-02	<i>DDX25</i>	-0.430	3.24E-02
<i>ETV7</i>	1.270	2.62E-02	<i>MOB3C</i>	0.623	3.25E-02
<i>EHD4</i>	1.075	2.62E-02	<i>BLNK</i>	0.420	3.25E-02
<i>GPNMB</i>	1.027	2.62E-02	<i>FCRLA</i>	0.373	3.25E-02
<i>KRT6B</i>	0.638	2.62E-02	<i>SMAD9</i>	-0.423	3.25E-02
<i>RPS4Y1</i>	-0.405	2.62E-02	<i>ZC3HC1</i>	-0.490	3.25E-02
<i>EYA1</i>	-0.567	2.62E-02	<i>KRII</i>	-0.530	3.25E-02
<i>REM2</i>	-0.621	2.62E-02	<i>SP140L</i>	0.595	3.26E-02
<i>EPS8L2</i>	-0.633	2.62E-02	<i>RHOH</i>	0.565	3.26E-02
<i>TBXAS1</i>	1.069	2.63E-02	<i>LAMP3</i>	0.475	3.26E-02
<i>ELL3</i>	-0.516	2.63E-02	<i>FZD3</i>	-0.440	3.26E-02
<i>HOXC5</i>	-0.535	2.63E-02	<i>RAB33A</i>	0.325	3.27E-02
<i>NLRC4</i>	0.982	2.64E-02	<i>LOC654433</i>	0.120	3.27E-02
<i>SLC25A53</i>	0.308	2.64E-02	<i>SNORD8</i>	-0.367	3.27E-02
<i>ADAM3A</i>	-0.535	2.64E-02	<i>NELL1</i>	-0.448	3.27E-02
<i>SLC25A41</i>	-0.590	2.64E-02	<i>CLPB</i>	-0.485	3.27E-02
<i>SLC9A1</i>	-0.646	2.64E-02	<i>EPRS</i>	-0.495	3.27E-02

<i>PPP1R13L</i>	-0.684	2.64E-02	<i>SRRT</i>	-0.543	3.27E-02
<i>SYTL1</i>	-0.693	2.64E-02	<i>TPP1</i>	1.010	3.28E-02
<i>SERPING1</i>	1.362	2.65E-02	<i>SLFN12</i>	0.575	3.28E-02
<i>ELF4</i>	1.234	2.65E-02	<i>DFNA5</i>	0.555	3.28E-02
<i>FNBP1</i>	1.221	2.65E-02	<i>AQP11</i>	-0.367	3.28E-02
<i>CHI3L1</i>	0.602	2.65E-02	<i>LINC00339</i>	-0.385	3.28E-02
<i>RNF150</i>	0.579	2.65E-02	<i>MAPKAPK5- AS1</i>	-0.450	3.28E-02
<i>CDKN2A</i>	0.457	2.65E-02	<i>PPP1R35</i>	-0.473	3.28E-02
<i>HOXD4</i>	-0.524	2.65E-02	<i>ASPN</i>	0.500	3.29E-02
<i>ARAP3</i>	-0.586	2.65E-02	<i>ZIC1</i>	-0.323	3.29E-02
<i>DOK6</i>	-0.600	2.65E-02	<i>E2F7</i>	-0.493	3.29E-02
<i>GBA2</i>	-0.623	2.65E-02	<i>ZNF783</i>	-0.505	3.29E-02
<i>PDDC1</i>	-0.681	2.65E-02	<i>FMNL2</i>	0.533	3.30E-02
<i>KRBA1</i>	-0.754	2.65E-02	<i>TAF1B</i>	-0.478	3.30E-02
<i>ZNF446</i>	-0.789	2.65E-02	<i>VEPH1</i>	-0.347	3.31E-02
<i>STEAP1</i>	0.574	2.66E-02	<i>ASB13</i>	-0.403	3.31E-02
<i>IL7</i>	0.526	2.66E-02	<i>CCDC77</i>	-0.487	3.31E-02
<i>PPME1</i>	-0.579	2.66E-02	<i>CXCL11</i>	0.438	3.32E-02
<i>MACROD1</i>	-0.708	2.66E-02	<i>C6orf164</i>	-0.377	3.32E-02
<i>MYO1F</i>	1.661	2.67E-02	<i>SPAG5</i>	-0.533	3.32E-02
<i>DOCK11</i>	1.472	2.67E-02	<i>STAB1</i>	0.900	3.33E-02
<i>NFKB1</i>	1.183	2.67E-02	<i>WDFY1</i>	0.750	3.33E-02
<i>ASB2</i>	0.586	2.67E-02	<i>CST7</i>	0.690	3.33E-02
<i>HIST1H2AB</i>	-0.542	2.67E-02	<i>EGR1</i>	0.420	3.33E-02
<i>ASB1</i>	-0.559	2.67E-02	<i>TNFRSF11A</i>	0.228	3.33E-02
<i>ARL3</i>	-0.565	2.67E-02	<i>C7orf29</i>	0.167	3.33E-02
<i>ZMYND8</i>	-0.635	2.67E-02	<i>SLC25A21</i>	-0.373	3.33E-02
<i>COTL1</i>	1.319	2.68E-02	<i>C11orf84</i>	-0.467	3.33E-02
<i>CXCL16</i>	1.156	2.68E-02	<i>WDR74</i>	-0.538	3.33E-02
<i>EMR1</i>	0.976	2.68E-02	<i>GLUL</i>	0.443	3.34E-02
<i>MCTP1</i>	0.828	2.68E-02	<i>GCNT3</i>	-0.398	3.34E-02
<i>REC8</i>	0.683	2.68E-02	<i>BHLHE22</i>	0.560	3.35E-02
<i>ARHGAP22</i>	0.607	2.68E-02	<i>CCDC102B</i>	0.375	3.35E-02
<i>JAKMIP1</i>	0.387	2.68E-02	<i>P2RX5</i>	0.358	3.35E-02
<i>CERS5</i>	-0.571	2.69E-02	<i>ZNF418</i>	-0.433	3.35E-02
<i>KIRREL2</i>	-0.693	2.69E-02	<i>METTL13</i>	-0.505	3.35E-02
<i>CXCL6</i>	0.443	2.70E-02	<i>SNRNP25</i>	-0.545	3.35E-02
<i>JAKMIP2</i>	0.381	2.70E-02	<i>TNS3</i>	0.673	3.36E-02
<i>LOC283481</i>	-0.543	2.70E-02	<i>UBASH3A</i>	0.548	3.36E-02
<i>APBB2</i>	-0.584	2.70E-02	<i>ACTR5</i>	-0.455	3.36E-02
<i>SLC41A2</i>	0.982	2.71E-02	<i>CCDC114</i>	-0.483	3.36E-02
<i>GREM1</i>	0.673	2.71E-02	<i>OPN5</i>	-0.563	3.36E-02
<i>TOX</i>	0.423	2.71E-02	<i>SERPINE1</i>	0.805	3.37E-02
<i>FLNB</i>	-0.578	2.71E-02	<i>CD1C</i>	0.633	3.37E-02
<i>PPDPF</i>	-0.684	2.71E-02	<i>MAGEA12</i>	0.145	3.37E-02
<i>RNF166</i>	0.886	2.72E-02	<i>FAM228A</i>	-0.373	3.37E-02
<i>UMODL1</i>	-0.463	2.72E-02	<i>MARCH4</i>	-0.450	3.37E-02
<i>LRRC46</i>	-0.575	2.72E-02	<i>EPN3</i>	-0.463	3.37E-02
<i>ASIC3</i>	-0.609	2.72E-02	<i>ARHGAP11A</i>	-0.515	3.37E-02
<i>SLC2A11</i>	-0.627	2.72E-02	<i>PLAT</i>	0.553	3.38E-02

<i>C5orf56</i>	0.725	2.73E-02	<i>C7</i>	0.545	3.38E-02
<i>MAML3</i>	-0.509	2.73E-02	<i>GABRA5</i>	-0.468	3.38E-02
<i>DLG3</i>	-0.560	2.73E-02	<i>MAGII</i>	-0.475	3.38E-02
<i>FAM100A</i>	-0.713	2.73E-02	<i>COL14A1</i>	0.740	3.39E-02
<i>TBC1D10C</i>	1.377	2.74E-02	<i>LOC375295</i>	0.260	3.39E-02
<i>TMEM154</i>	0.617	2.74E-02	<i>XRRAl</i>	-0.293	3.39E-02
<i>TNFRSF10A</i>	0.577	2.74E-02	<i>FAM184B</i>	-0.370	3.39E-02
<i>TNFRSF11B</i>	0.458	2.74E-02	<i>ZFYVE9</i>	-0.410	3.39E-02
<i>KIAA1875</i>	-0.691	2.74E-02	<i>RPRD1A</i>	-0.548	3.39E-02
<i>BEND4</i>	0.268	2.75E-02	<i>FBLN1</i>	0.898	3.40E-02
<i>RGS7BP</i>	-0.453	2.75E-02	<i>GIT2</i>	0.730	3.40E-02
<i>ARSK</i>	-0.555	2.75E-02	<i>LAT</i>	0.650	3.40E-02
<i>CNTN1</i>	-0.564	2.75E-02	<i>ADAMTSL4</i>	0.470	3.40E-02
<i>CST9</i>	-0.597	2.75E-02	<i>GIPC2</i>	0.255	3.40E-02
<i>ZNF706</i>	-0.599	2.75E-02	<i>ZNF8</i>	-0.400	3.40E-02
<i>PELI3</i>	-0.624	2.75E-02	<i>MGAT1</i>	0.920	3.41E-02
<i>PLA2G4C</i>	0.770	2.76E-02	<i>UBE2QL1</i>	0.240	3.41E-02
<i>SGSM1</i>	-0.759	2.76E-02	<i>CXorf69</i>	0.213	3.41E-02
<i>ADAP2</i>	1.239	2.77E-02	<i>GARNL3</i>	-0.423	3.41E-02
<i>GNA15</i>	0.963	2.77E-02	<i>TUBB2A</i>	0.500	3.42E-02
<i>POLR2J4</i>	-0.551	2.77E-02	<i>INPP4B</i>	0.355	3.42E-02
<i>ORM1</i>	0.222	2.78E-02	<i>ZSCAN22</i>	-0.357	3.42E-02
<i>TSPAN13</i>	-0.561	2.78E-02	<i>GPX8</i>	0.703	3.43E-02
<i>PSME1</i>	1.470	2.79E-02	<i>SPATS2L</i>	0.600	3.43E-02
<i>TCP11L1</i>	0.629	2.79E-02	<i>SLCO2A1</i>	0.580	3.43E-02
<i>CYP27B1</i>	0.526	2.79E-02	<i>TMTC1</i>	0.447	3.43E-02
<i>FKBP5</i>	0.522	2.79E-02	<i>EDEMI</i>	0.620	3.44E-02
<i>SECTM1</i>	1.129	2.80E-02	<i>PTGFRN</i>	0.440	3.44E-02
<i>GFPT2</i>	0.963	2.80E-02	<i>EFCAB4B</i>	-0.387	3.44E-02
<i>SNX18</i>	0.426	2.80E-02	<i>DPH3P1</i>	-0.443	3.44E-02
<i>RGS10</i>	0.737	2.81E-02	<i>BMP2K</i>	0.620	3.45E-02
<i>AFMID</i>	-0.552	2.81E-02	<i>FBP1</i>	0.438	3.45E-02
<i>ATP6AP1L</i>	-0.607	2.81E-02	<i>FDCSP</i>	0.207	3.45E-02
<i>C12orf76</i>	-0.614	2.81E-02	<i>SKAP2</i>	0.805	3.46E-02
<i>DLX2</i>	-0.616	2.81E-02	<i>CARD8</i>	0.738	3.46E-02
<i>PSMB10</i>	1.614	2.82E-02	<i>RBBP4</i>	-0.487	3.46E-02
<i>MAP4K1</i>	1.481	2.82E-02	<i>RAB42</i>	0.173	3.47E-02
<i>TMEM170A</i>	0.799	2.82E-02	<i>TUSC1</i>	-0.373	3.47E-02
<i>LOC100169752</i>	-0.452	2.82E-02	<i>CD2</i>	0.718	3.48E-02
<i>CCDC158</i>	-0.546	2.82E-02	<i>SH3D19</i>	0.653	3.48E-02
<i>SLC15A3</i>	1.595	2.83E-02	<i>PDE2A</i>	0.593	3.48E-02
<i>PIP4K2C</i>	-0.519	2.83E-02	<i>DIS3L2</i>	-0.390	3.48E-02
<i>PCLO</i>	-0.646	2.83E-02	<i>ZNF142</i>	-0.468	3.48E-02
<i>JAZF1</i>	1.045	2.84E-02	<i>LOC202781</i>	-0.617	3.48E-02
<i>COL6A5</i>	0.305	2.84E-02	<i>UGCG</i>	0.610	3.49E-02
<i>MOB3C</i>	0.955	2.85E-02	<i>SLAMF1</i>	0.553	3.49E-02
<i>CUEDC1</i>	-0.599	2.85E-02	<i>PALMD</i>	0.473	3.49E-02
<i>INPP5D</i>	1.248	2.86E-02	<i>ANTXR1</i>	0.698	3.50E-02
<i>FBXO6</i>	1.002	2.86E-02	<i>RGS1</i>	0.493	3.50E-02
<i>KLRG1</i>	0.757	2.86E-02	<i>PIM2</i>	0.450	3.50E-02
<i>FNDC5</i>	-0.662	2.86E-02	<i>SPATA5</i>	-0.480	3.50E-02

<i>C20orf79</i>	-0.664	2.86E-02	<i>MIR100HG</i>	0.620	3.51E-02
<i>RORC</i>	-0.676	2.87E-02	<i>NLRC4</i>	0.583	3.51E-02
<i>GAS2L1</i>	-0.678	2.87E-02	<i>CD38</i>	0.443	3.51E-02
<i>ZNF10</i>	-0.686	2.87E-02	<i>DOK7</i>	-0.387	3.51E-02
<i>APOBEC3B</i>	0.754	2.88E-02	<i>C10orf122</i>	-0.413	3.51E-02
<i>ATP10A</i>	0.485	2.88E-02	<i>PPM1J</i>	-0.423	3.51E-02
<i>ENOSF1</i>	-0.599	2.88E-02	<i>KRTAP7-1</i>	-0.440	3.51E-02
<i>FAM211B</i>	-0.680	2.88E-02	<i>FAM184A</i>	-0.453	3.51E-02
<i>OPTN</i>	1.564	2.89E-02	<i>POLA2</i>	-0.530	3.51E-02
<i>CLDN1</i>	0.573	2.89E-02	<i>FBLN5</i>	0.665	3.52E-02
<i>ARHGAP5-AS1</i>	-0.520	2.89E-02	<i>PHLDB2</i>	0.620	3.52E-02
<i>FGGY</i>	-0.536	2.89E-02	<i>CPED1</i>	0.583	3.52E-02
<i>SLC35B2</i>	-0.654	2.89E-02	<i>SULF2</i>	0.500	3.52E-02
<i>ZC3HAV1</i>	0.837	2.90E-02	<i>GALNT10</i>	0.465	3.52E-02
<i>STON2</i>	-0.498	2.90E-02	<i>KIAA1257</i>	-0.380	3.52E-02
<i>ZFYVE9</i>	-0.574	2.90E-02	<i>FAAH</i>	-0.483	3.52E-02
<i>KIAA1407</i>	-0.694	2.90E-02	<i>ISMI</i>	0.263	3.53E-02
<i>DHX32</i>	-0.495	2.91E-02	<i>SGPP2</i>	0.210	3.53E-02
<i>GSTA4</i>	-0.609	2.91E-02	<i>DZANK1</i>	-0.425	3.53E-02
<i>MTX3</i>	-0.658	2.91E-02	<i>SPPL2A</i>	0.853	3.54E-02
<i>ARHGAP17</i>	0.785	2.93E-02	<i>CD302</i>	0.690	3.54E-02
<i>DYRK2</i>	0.696	2.93E-02	<i>CLEC10A</i>	0.638	3.54E-02
<i>FERMT1</i>	0.565	2.93E-02	<i>FAM49A</i>	0.550	3.54E-02
<i>SAMD12</i>	-0.423	2.93E-02	<i>FAM89A</i>	0.193	3.54E-02
<i>SCUBE2</i>	-0.563	2.93E-02	<i>MKNK1</i>	0.615	3.55E-02
<i>HECTD2</i>	-0.685	2.93E-02	<i>RSBNIL</i>	-0.460	3.55E-02
<i>FLII</i>	1.312	2.94E-02	<i>GBP2</i>	0.853	3.56E-02
<i>SCARF1</i>	0.652	2.94E-02	<i>IFI30</i>	0.840	3.56E-02
<i>ZNF233</i>	-0.499	2.94E-02	<i>ACTC1</i>	0.388	3.56E-02
<i>E4F1</i>	-0.749	2.94E-02	<i>HARIA</i>	0.280	3.56E-02
<i>SPPL2B</i>	-0.758	2.94E-02	<i>PITPNC1</i>	0.248	3.56E-02
<i>CORO1A</i>	1.410	2.95E-02	<i>LINC00515</i>	-0.337	3.56E-02
<i>OLFM4</i>	0.166	2.96E-02	<i>RAB8B</i>	0.938	3.57E-02
<i>HTT</i>	-0.660	2.96E-02	<i>MYOF</i>	0.808	3.57E-02
<i>CFLAR</i>	1.362	2.97E-02	<i>SERPINB1</i>	0.743	3.57E-02
<i>HLA-J</i>	1.340	2.97E-02	<i>WLS</i>	0.518	3.57E-02
<i>EBI3</i>	1.051	2.97E-02	<i>B3GNT9</i>	0.503	3.57E-02
<i>C8orf4</i>	0.495	2.97E-02	<i>DTX4</i>	0.268	3.57E-02
<i>RGS7</i>	-0.518	2.97E-02	<i>FBXL21</i>	-0.387	3.57E-02
<i>PCSK6</i>	-0.593	2.97E-02	<i>CBLC</i>	-0.458	3.57E-02
<i>MYH10</i>	-0.619	2.97E-02	<i>COL5A1</i>	0.855	3.58E-02
<i>SLC26A10</i>	-0.660	2.97E-02	<i>FAIM3</i>	0.600	3.58E-02
<i>ANKRD19P</i>	-0.472	2.98E-02	<i>MAGEF1</i>	-0.440	3.58E-02
<i>UBXN10</i>	-0.522	2.98E-02	<i>PLCG2</i>	0.540	3.59E-02
<i>DNAL1</i>	-0.558	2.98E-02	<i>CYP11B1-AS1</i>	0.140	3.59E-02
<i>NEK11</i>	-0.612	2.98E-02	<i>POU2F3</i>	-0.368	3.59E-02
<i>KHDRBS2</i>	-0.699	2.98E-02	<i>ZNF568</i>	-0.400	3.59E-02
<i>C1R</i>	1.416	2.99E-02	<i>SPATA6</i>	-0.400	3.59E-02
<i>TGM2</i>	1.120	2.99E-02	<i>CDCA4</i>	-0.510	3.59E-02
<i>ZNF438</i>	0.712	2.99E-02	<i>MRT04</i>	-0.535	3.59E-02
<i>CARD9</i>	0.626	2.99E-02	<i>HSD11B1L</i>	-0.550	3.59E-02

<i>TXLNB</i>	0.313	2.99E-02	<i>ANXA1</i>	0.808	3.60E-02
<i>HN1L</i>	-0.653	2.99E-02	<i>LOC388692</i>	0.410	3.60E-02
<i>AAED1</i>	0.974	3.00E-02	<i>LOH12CR2</i>	-0.400	3.60E-02
<i>CXCL2</i>	0.821	3.00E-02	<i>EXOSC5</i>	-0.538	3.60E-02
<i>H2AFY2</i>	0.413	3.01E-02	<i>CIAO1</i>	-0.468	3.61E-02
<i>NUDCD3</i>	-0.605	3.01E-02	<i>TIMP2</i>	0.903	3.62E-02
<i>MAP3K5</i>	0.996	3.02E-02	<i>CD27</i>	0.645	3.62E-02
<i>UNC13C</i>	-0.496	3.02E-02	<i>MMP7</i>	0.258	3.62E-02
<i>KCTD12</i>	1.144	3.03E-02	<i>SLC2A1</i>	-0.365	3.62E-02
<i>ATF5</i>	0.712	3.03E-02	<i>NPHP1</i>	-0.367	3.62E-02
<i>DDIT4</i>	0.510	3.03E-02	<i>BPHL</i>	-0.410	3.62E-02
<i>NUB1</i>	1.018	3.04E-02	<i>B9D1</i>	-0.468	3.62E-02
<i>NBAS</i>	-0.588	3.04E-02	<i>ELL2</i>	0.650	3.63E-02
<i>IL17B</i>	-0.600	3.04E-02	<i>PDZRN4</i>	0.305	3.63E-02
<i>LRRC33</i>	0.772	3.05E-02	<i>GTF3C2</i>	-0.485	3.63E-02
<i>ITM2C</i>	0.678	3.05E-02	<i>F3</i>	0.533	3.64E-02
<i>DDX25</i>	-0.588	3.05E-02	<i>F2RL2</i>	0.453	3.64E-02
<i>LACTB</i>	1.502	3.06E-02	<i>TMEM186</i>	-0.468	3.64E-02
<i>VAMP1</i>	0.587	3.06E-02	<i>ZBTB8B</i>	-0.497	3.64E-02
<i>PITPNC1</i>	0.369	3.06E-02	<i>MRPL43</i>	-0.507	3.64E-02
<i>RNF175</i>	0.248	3.06E-02	<i>SLC31A2</i>	0.780	3.65E-02
<i>ING5</i>	-0.620	3.06E-02	<i>TFPI</i>	0.603	3.65E-02
<i>ABCC12</i>	-0.649	3.06E-02	<i>STS</i>	0.408	3.65E-02
<i>PDK2</i>	-0.701	3.06E-02	<i>MSRA</i>	0.405	3.65E-02
<i>LY96</i>	1.635	3.07E-02	<i>AIFM3</i>	-0.427	3.65E-02
<i>PPP1R18</i>	1.617	3.07E-02	<i>C6orf123</i>	-0.473	3.65E-02
<i>CSF1R</i>	1.450	3.07E-02	<i>SLAMF7</i>	0.655	3.66E-02
<i>PABPC5</i>	-0.526	3.07E-02	<i>EIF4E3</i>	0.593	3.66E-02
<i>C1orf213</i>	-0.649	3.07E-02	<i>SCARA5</i>	0.510	3.66E-02
<i>CAPN6</i>	0.737	3.08E-02	<i>P2RY10</i>	0.503	3.66E-02
<i>USP27X</i>	-0.475	3.08E-02	<i>SPRYD7</i>	-0.400	3.66E-02
<i>BSPRY</i>	-0.571	3.08E-02	<i>APTX</i>	-0.483	3.66E-02
<i>ALDH4A1</i>	-0.623	3.08E-02	<i>DUSP3</i>	0.645	3.67E-02
<i>SCRN2</i>	-0.710	3.08E-02	<i>KCNJ2</i>	0.408	3.67E-02
<i>C2orf15</i>	-0.528	3.09E-02	<i>HOXA7</i>	0.223	3.67E-02
<i>CROT</i>	-0.588	3.09E-02	<i>LSM11</i>	-0.350	3.67E-02
<i>IFT81</i>	-0.677	3.09E-02	<i>DHPS</i>	-0.513	3.67E-02
<i>ALKBH7</i>	-0.735	3.09E-02	<i>PARP14</i>	0.823	3.68E-02
<i>LGALS8-AS1</i>	-0.760	3.09E-02	<i>COL12A1</i>	0.697	3.68E-02
<i>PTAFR</i>	1.507	3.10E-02	<i>CTLA4</i>	0.600	3.68E-02
<i>PLEKHS1</i>	0.125	3.10E-02	<i>ZBTB16</i>	0.345	3.68E-02
<i>BCL2L14</i>	0.996	3.11E-02	<i>CACNA2D3</i>	0.145	3.68E-02
<i>CASP7</i>	0.955	3.11E-02	<i>ZDHHC13</i>	-0.465	3.68E-02
<i>SIPR1</i>	0.895	3.11E-02	<i>ZNF837</i>	-0.517	3.69E-02
<i>EC11</i>	-0.707	3.11E-02	<i>COQ3</i>	-0.518	3.69E-02
<i>SNX20</i>	0.871	3.12E-02	<i>OMD</i>	0.575	3.70E-02
<i>BATF3</i>	0.766	3.12E-02	<i>SGIP1</i>	0.483	3.70E-02
<i>FLJ34503</i>	-0.499	3.12E-02	<i>FAM107B</i>	0.450	3.70E-02
<i>C1orf168</i>	-0.511	3.12E-02	<i>EAF2</i>	0.440	3.70E-02
<i>VAPB</i>	-0.513	3.12E-02	<i>HBB</i>	0.318	3.70E-02
<i>SRGAP3</i>	-0.603	3.12E-02	<i>OLFM4</i>	0.080	3.70E-02

<i>SLC25A17</i>	-0.624	3.12E-02	<i>SLCO6A1</i>	-0.390	3.70E-02
<i>PMM1</i>	-0.659	3.12E-02	<i>CASP1</i>	0.813	3.71E-02
<i>PANK2</i>	0.785	3.13E-02	<i>SPRED1</i>	0.740	3.71E-02
<i>SFRP2</i>	0.627	3.13E-02	<i>BACH2</i>	0.448	3.71E-02
<i>PBX4</i>	0.475	3.13E-02	<i>SP100</i>	0.738	3.72E-02
<i>LINC00471</i>	-0.472	3.13E-02	<i>PVRIG</i>	0.585	3.72E-02
<i>MTHFSD</i>	-0.528	3.13E-02	<i>HGF</i>	0.488	3.72E-02
<i>C17orf105</i>	-0.541	3.13E-02	<i>SCN5A</i>	-0.423	3.72E-02
<i>SERPINA10</i>	-0.621	3.13E-02	<i>COPS7B</i>	-0.458	3.72E-02
<i>RSG1</i>	-0.632	3.13E-02	<i>CELSR3</i>	-0.470	3.72E-02
<i>ABCB6</i>	-0.535	3.14E-02	<i>RILPL2</i>	0.567	3.73E-02
<i>TNRC6C</i>	-0.594	3.14E-02	<i>CORO2B</i>	0.488	3.73E-02
<i>COLQ</i>	-0.632	3.14E-02	<i>RNF125</i>	0.330	3.73E-02
<i>NFKBIA</i>	1.014	3.15E-02	<i>XK</i>	-0.375	3.73E-02
<i>FAM122C</i>	0.549	3.15E-02	<i>MUTYH</i>	-0.488	3.73E-02
<i>PCED1A</i>	-0.666	3.15E-02	<i>NCDN</i>	-0.493	3.73E-02
<i>CD97</i>	1.256	3.16E-02	<i>AKNA</i>	0.630	3.74E-02
<i>TDRD7</i>	1.179	3.16E-02	<i>ATP8B4</i>	0.538	3.74E-02
<i>PILRA</i>	1.109	3.16E-02	<i>EPHA4</i>	0.375	3.74E-02
<i>FBXL13</i>	0.260	3.16E-02	<i>AFAP1L1</i>	0.330	3.74E-02
<i>ZNF250</i>	-0.525	3.16E-02	<i>LRP6</i>	-0.468	3.74E-02
<i>ANKRD54</i>	-0.625	3.16E-02	<i>OGFOD2</i>	-0.523	3.74E-02
<i>TRAFD1</i>	0.848	3.17E-02	<i>NME1</i>	-0.563	3.74E-02
<i>RCN1</i>	0.729	3.17E-02	<i>C3orf79</i>	-0.327	3.75E-02
<i>ID3</i>	0.463	3.17E-02	<i>ECM1</i>	0.635	3.76E-02
<i>RHBDL2</i>	0.449	3.17E-02	<i>PARP6</i>	-0.450	3.76E-02
<i>GLI3</i>	-0.605	3.17E-02	<i>MIR22HG</i>	0.758	3.77E-02
<i>PLEKHO1</i>	1.152	3.18E-02	<i>PDGFC</i>	0.695	3.77E-02
<i>PDCD1LG2</i>	1.073	3.18E-02	<i>HCP5</i>	0.533	3.77E-02
<i>GFOD1</i>	0.276	3.18E-02	<i>EREG</i>	0.273	3.77E-02
<i>BCAS1</i>	-0.533	3.18E-02	<i>ST6GALNAC1</i>	0.133	3.77E-02
<i>STXBP4</i>	-0.569	3.18E-02	<i>ST7L</i>	-0.375	3.77E-02
<i>LOC728537</i>	-0.581	3.18E-02	<i>APOBEC3G</i>	0.633	3.78E-02
<i>IGSF3</i>	-0.515	3.19E-02	<i>LPIN2</i>	0.533	3.78E-02
<i>FLRT3</i>	-0.516	3.19E-02	<i>GHR</i>	0.483	3.78E-02
<i>ZNF193</i>	-0.526	3.19E-02	<i>TMEM27</i>	-0.357	3.78E-02
<i>NKX3-2</i>	-0.587	3.19E-02	<i>TNS1</i>	0.813	3.79E-02
<i>MKL2</i>	-0.659	3.19E-02	<i>SERPINA1</i>	0.633	3.79E-02
<i>VAMP5</i>	1.226	3.20E-02	<i>SCN4B</i>	0.387	3.79E-02
<i>KMO</i>	0.665	3.20E-02	<i>C3orf33</i>	-0.393	3.79E-02
<i>HAS2</i>	0.587	3.20E-02	<i>MAPK8</i>	-0.445	3.79E-02
<i>FNDC1</i>	0.593	3.21E-02	<i>NBL1</i>	0.595	3.80E-02
<i>KRT222</i>	-0.472	3.21E-02	<i>ZNF786</i>	-0.420	3.80E-02
<i>RAB3IP</i>	-0.571	3.21E-02	<i>CEP70</i>	-0.470	3.80E-02
<i>ARID2</i>	-0.751	3.21E-02	<i>ITGA2B</i>	-0.503	3.80E-02
<i>LST1</i>	1.647	3.22E-02	<i>EDNRA</i>	0.615	3.81E-02
<i>TMEM30B</i>	-0.561	3.22E-02	<i>TBC1D2</i>	0.590	3.81E-02
<i>ZNF263</i>	-0.596	3.22E-02	<i>RAB37</i>	0.410	3.81E-02
<i>OR2W1</i>	-0.596	3.22E-02	<i>PRKRIP1</i>	-0.440	3.81E-02
<i>LINC00612</i>	-0.663	3.22E-02	<i>LRAT</i>	-0.333	3.82E-02
<i>NECAP2</i>	1.448	3.23E-02	<i>RNF41</i>	-0.400	3.82E-02

<i>C9orf117</i>	-0.653	3.23E-02	<i>CTU2</i>	-0.520	3.82E-02
<i>SVOPL</i>	0.188	3.24E-02	<i>TRPV2</i>	0.683	3.83E-02
<i>PIGM</i>	-0.619	3.24E-02	<i>AGTR1</i>	0.525	3.83E-02
<i>JAK2</i>	1.523	3.25E-02	<i>KIAA1199</i>	0.398	3.83E-02
<i>CSRP2</i>	0.429	3.25E-02	<i>STEAP2</i>	0.360	3.83E-02
<i>TLL1</i>	-0.509	3.25E-02	<i>PMCHL1</i>	-0.357	3.83E-02
<i>EXOC6</i>	-0.615	3.25E-02	<i>ALCAM</i>	0.473	3.84E-02
<i>PLXNC1</i>	0.835	3.26E-02	<i>ATXN1L</i>	0.467	3.84E-02
<i>NME8</i>	0.524	3.26E-02	<i>CNTN3</i>	0.327	3.84E-02
<i>XPNPEP3</i>	-0.482	3.26E-02	<i>KCTD6</i>	-0.410	3.84E-02
<i>CABS1</i>	-0.516	3.26E-02	<i>EME1</i>	-0.487	3.84E-02
<i>LILRA4</i>	0.976	3.27E-02	<i>PIGQ</i>	-0.523	3.84E-02
<i>C12orf66</i>	-0.608	3.27E-02	<i>POLR2F</i>	-0.533	3.84E-02
<i>ITFG3</i>	-0.691	3.27E-02	<i>TRIM22</i>	0.903	3.85E-02
<i>ZMYND10</i>	-0.719	3.27E-02	<i>TPK1</i>	0.553	3.85E-02
<i>PTPRE</i>	1.211	3.28E-02	<i>CXorf65</i>	0.427	3.85E-02
<i>ARHGDI1</i>	1.179	3.28E-02	<i>KAL1</i>	0.355	3.85E-02
<i>FYN</i>	0.977	3.28E-02	<i>TMEM30B</i>	-0.403	3.85E-02
<i>SIK1</i>	0.612	3.28E-02	<i>MAGEH1</i>	0.558	3.86E-02
<i>RGCC</i>	0.511	3.28E-02	<i>UGT2B28</i>	0.155	3.86E-02
<i>APLF</i>	0.438	3.28E-02	<i>FAM201A</i>	-0.343	3.86E-02
<i>IRF2</i>	1.230	3.29E-02	<i>MYO10</i>	-0.368	3.86E-02
<i>DIS3L2</i>	-0.529	3.29E-02	<i>ZNF285</i>	-0.390	3.86E-02
<i>SLC5A8</i>	-0.649	3.29E-02	<i>C17orf101</i>	-0.433	3.86E-02
<i>DHRS9</i>	0.642	3.30E-02	<i>JMJD4</i>	-0.500	3.86E-02
<i>HAMP</i>	0.629	3.30E-02	<i>NDUFA7</i>	-0.528	3.86E-02
<i>SHROOM3</i>	-0.497	3.30E-02	<i>TPM1</i>	0.590	3.87E-02
<i>FASLG</i>	1.182	3.31E-02	<i>FAM133A</i>	0.187	3.87E-02
<i>CHI3L2</i>	0.449	3.31E-02	<i>ANKRD45</i>	-0.310	3.87E-02
<i>ARL11</i>	0.359	3.31E-02	<i>POLR1A</i>	-0.443	3.87E-02
<i>MT1F</i>	0.347	3.31E-02	<i>EPT1</i>	-0.517	3.87E-02
<i>C11orf95</i>	-0.586	3.31E-02	<i>PRC1</i>	-0.533	3.87E-02
<i>CD14</i>	1.376	3.32E-02	<i>APLNR</i>	0.738	3.88E-02
<i>SERPIN1</i>	1.217	3.32E-02	<i>RSAD2</i>	0.538	3.88E-02
<i>RHEBL1</i>	0.448	3.32E-02	<i>THSD7A</i>	0.415	3.88E-02
<i>SLC14A1</i>	-0.456	3.32E-02	<i>PRG4</i>	0.275	3.88E-02
<i>CNGA4</i>	-0.531	3.32E-02	<i>LOC100129726</i>	-0.483	3.88E-02
<i>DAND5</i>	-0.628	3.32E-02	<i>PTTG1</i>	-0.523	3.88E-02
<i>DDAH2</i>	-0.630	3.32E-02	<i>IGFLR1</i>	0.578	3.89E-02
<i>ARSB</i>	0.794	3.34E-02	<i>LHFPL1</i>	-0.353	3.89E-02
<i>ZNF280B</i>	0.569	3.34E-02	<i>LOC647946</i>	-0.357	3.89E-02
<i>ANKRD52</i>	-0.576	3.34E-02	<i>A1BG</i>	-0.453	3.89E-02
<i>ADAMTS1</i>	0.681	3.35E-02	<i>CCDC167</i>	-0.477	3.89E-02
<i>RNF113A</i>	0.665	3.35E-02	<i>ACSL1</i>	0.633	3.90E-02
<i>FLT1</i>	0.492	3.35E-02	<i>IRAK3</i>	0.585	3.90E-02
<i>LOC158572</i>	-0.509	3.35E-02	<i>CLDN11</i>	0.475	3.90E-02
<i>LINC00085</i>	-0.584	3.35E-02	<i>CCBE1</i>	0.373	3.90E-02
<i>CHRM4</i>	-0.605	3.35E-02	<i>NOG</i>	0.103	3.90E-02
<i>GLRX</i>	1.063	3.36E-02	<i>NLGN4Y</i>	-0.338	3.90E-02
<i>DEPTOR</i>	-0.523	3.36E-02	<i>WBP1L</i>	0.795	3.91E-02
<i>FAM170A</i>	-0.611	3.36E-02	<i>ITPRI</i>	0.543	3.91E-02

<i>TMEM121</i>	-0.640	3.36E-02	<i>CLIC5</i>	0.450	3.91E-02
<i>EIF2B4</i>	-0.687	3.36E-02	<i>MGC57346</i>	-0.370	3.91E-02
<i>GPX1</i>	0.778	3.37E-02	<i>NMNAT1</i>	-0.390	3.91E-02
<i>UBE2E2</i>	0.639	3.37E-02	<i>GOLGA7B</i>	-0.527	3.91E-02
<i>LOC255411</i>	-0.562	3.37E-02	<i>ORC1</i>	-0.533	3.91E-02
<i>TMEM80</i>	-0.610	3.37E-02	<i>CTSO</i>	0.920	3.92E-02
<i>ATP5SL</i>	-0.655	3.37E-02	<i>PTPRB</i>	0.633	3.92E-02
<i>OTUD7A</i>	-0.660	3.37E-02	<i>HTRA3</i>	0.613	3.92E-02
<i>FGF12</i>	-0.514	3.38E-02	<i>HLX</i>	0.585	3.92E-02
<i>PGAP3</i>	-0.656	3.38E-02	<i>HS3ST3A1</i>	0.275	3.92E-02
<i>ATP6V1B2</i>	1.490	3.39E-02	<i>S100A7</i>	0.160	3.92E-02
<i>N4BP1</i>	0.975	3.39E-02	<i>DCUN1D2</i>	-0.410	3.92E-02
<i>METT121A</i>	0.633	3.39E-02	<i>FKBP15</i>	0.695	3.93E-02
<i>TNFRSF21</i>	0.503	3.39E-02	<i>TPM4</i>	0.633	3.93E-02
<i>DTX4</i>	0.366	3.39E-02	<i>ALPK2</i>	0.357	3.93E-02
<i>C1orf87</i>	-0.571	3.39E-02	<i>ATP10A</i>	0.318	3.93E-02
<i>FLVCR1-AS1</i>	-0.473	3.40E-02	<i>GPR174</i>	0.260	3.93E-02
<i>OLFM2</i>	-0.561	3.40E-02	<i>MUC15</i>	0.167	3.93E-02
<i>TAF6</i>	-0.619	3.40E-02	<i>BFSP1</i>	-0.333	3.93E-02
<i>ZNF837</i>	-0.717	3.41E-02	<i>ITLN1</i>	-0.367	3.93E-02
<i>HMHA1</i>	1.210	3.42E-02	<i>GOT1</i>	-0.448	3.93E-02
<i>CX3CL1</i>	0.825	3.42E-02	<i>ISLR</i>	0.690	3.94E-02
<i>LOC339803</i>	0.422	3.42E-02	<i>TMEM176A</i>	0.550	3.94E-02
<i>ZC3H3</i>	-0.649	3.42E-02	<i>FAM5C</i>	0.093	3.94E-02
<i>MFSD10</i>	-0.695	3.42E-02	<i>GZMB</i>	0.500	3.95E-02
<i>EML4</i>	0.954	3.43E-02	<i>C14orf182</i>	-0.350	3.95E-02
<i>ABHD14B</i>	-0.697	3.43E-02	<i>REXO1</i>	-0.510	3.95E-02
<i>WDFY1</i>	1.159	3.44E-02	<i>LRRC15</i>	0.608	3.96E-02
<i>RCAN3</i>	-0.438	3.44E-02	<i>PLCXD2</i>	0.233	3.96E-02
<i>ANO1</i>	-0.444	3.44E-02	<i>RP9P</i>	-0.337	3.96E-02
<i>H2AFJ</i>	-0.512	3.44E-02	<i>RASEF</i>	-0.347	3.96E-02
<i>RAB32</i>	0.864	3.45E-02	<i>PPME1</i>	-0.405	3.96E-02
<i>TMC5</i>	-0.503	3.45E-02	<i>ZNF137P</i>	-0.463	3.96E-02
<i>ZMAT1</i>	-0.697	3.45E-02	<i>CHAF1B</i>	-0.508	3.96E-02
<i>DSE</i>	1.496	3.46E-02	<i>DPY30</i>	-0.527	3.96E-02
<i>MSR1</i>	0.949	3.46E-02	<i>PIK3R5</i>	0.790	3.97E-02
<i>CCDC96</i>	-0.530	3.46E-02	<i>NID1</i>	0.653	3.97E-02
<i>FAM173A</i>	-0.745	3.46E-02	<i>MCAM</i>	0.613	3.97E-02
<i>DUSP10</i>	0.576	3.47E-02	<i>STAP1</i>	0.370	3.97E-02
<i>LRRC8D</i>	0.521	3.47E-02	<i>PNMA2</i>	0.318	3.97E-02
<i>PTCHD1</i>	0.391	3.47E-02	<i>ZC3HAV1L</i>	-0.330	3.97E-02
<i>SDR16C5</i>	-0.470	3.47E-02	<i>CHKA</i>	-0.380	3.97E-02
<i>NXNL2</i>	-0.473	3.47E-02	<i>C1orf213</i>	-0.457	3.97E-02
<i>OSBPL1A</i>	-0.567	3.47E-02	<i>BATF2</i>	0.483	3.98E-02
<i>SERPINF1</i>	0.766	3.48E-02	<i>SF3A2</i>	-0.513	3.98E-02
<i>GCNT2</i>	0.350	3.48E-02	<i>GEM</i>	0.618	3.99E-02
<i>LYSMD4</i>	0.339	3.48E-02	<i>FAM13C</i>	0.410	3.99E-02
<i>SIT1</i>	1.292	3.49E-02	<i>CYS1</i>	0.407	3.99E-02
<i>KCNJ2</i>	0.541	3.49E-02	<i>NGFR</i>	0.398	3.99E-02
<i>SH2D1B</i>	0.336	3.49E-02	<i>OLFM2</i>	-0.403	3.99E-02
<i>XKRX</i>	-0.458	3.49E-02	<i>CAPS</i>	-0.530	3.99E-02

<i>ATP1B2</i>	-0.698	3.49E-02	<i>PARVG</i>	0.703	4.00E-02
<i>CD4</i>	1.362	3.50E-02	<i>TNFAIP8L2</i>	0.660	4.00E-02
<i>RNF19B</i>	1.063	3.50E-02	<i>SCIN</i>	0.170	4.00E-02
<i>KIF21B</i>	0.696	3.50E-02	<i>SLC17A8</i>	-0.357	4.00E-02
<i>DISC1</i>	0.484	3.50E-02	<i>ENY2</i>	-0.483	4.00E-02
<i>LGALS3BP</i>	1.060	3.51E-02	<i>ANXA11</i>	0.695	4.01E-02
<i>GM2A</i>	0.966	3.51E-02	<i>PARD6G</i>	-0.370	4.01E-02
<i>GYPC</i>	0.878	3.51E-02	<i>ABCB6</i>	-0.383	4.01E-02
<i>COX8C</i>	-0.484	3.52E-02	<i>DIRAS1</i>	-0.460	4.01E-02
<i>ZC3H10</i>	-0.498	3.52E-02	<i>SP110</i>	0.738	4.02E-02
<i>MCF2L</i>	-0.621	3.52E-02	<i>ADH1C</i>	0.293	4.02E-02
<i>CYP7B1</i>	0.415	3.53E-02	<i>SHISA2</i>	0.123	4.02E-02
<i>DACH1</i>	-0.473	3.53E-02	<i>DECR2</i>	-0.440	4.02E-02
<i>H1FO</i>	-0.479	3.53E-02	<i>FOS</i>	0.438	4.03E-02
<i>DCAKD</i>	-0.519	3.53E-02	<i>ANKRD22</i>	0.427	4.03E-02
<i>SV2A</i>	-0.551	3.53E-02	<i>C19orf12</i>	0.303	4.03E-02
<i>C16orf74</i>	-0.580	3.53E-02	<i>APCDD1</i>	0.303	4.03E-02
<i>C1orf172</i>	-0.634	3.53E-02	<i>SPATS1</i>	-0.420	4.03E-02
<i>FGFR4</i>	-0.668	3.53E-02	<i>PTDSS2</i>	-0.478	4.03E-02
<i>TRIM3</i>	-0.711	3.53E-02	<i>KDM1A</i>	-0.490	4.03E-02
<i>YBX1</i>	0.943	3.54E-02	<i>OBSCN</i>	-0.517	4.03E-02
<i>PNPLA4</i>	-0.546	3.54E-02	<i>RPS6KA2</i>	0.613	4.04E-02
<i>NRTN</i>	-0.569	3.54E-02	<i>NINJ2</i>	0.303	4.04E-02
<i>CCDC159</i>	-0.658	3.54E-02	<i>CUTA</i>	-0.503	4.05E-02
<i>HSD17B3</i>	-0.513	3.55E-02	<i>SIGLEC10</i>	0.590	4.06E-02
<i>FOXD2</i>	-0.554	3.55E-02	<i>AGPAT4</i>	0.373	4.06E-02
<i>C1orf53</i>	-0.603	3.55E-02	<i>FAM71E1</i>	-0.467	4.06E-02
<i>CLEC4E</i>	0.887	3.56E-02	<i>XKRX</i>	-0.333	4.07E-02
<i>RHOF</i>	0.745	3.56E-02	<i>CNNM4</i>	-0.348	4.07E-02
<i>CCDC89</i>	0.194	3.56E-02	<i>LOC152217</i>	-0.487	4.07E-02
<i>C3orf79</i>	-0.443	3.56E-02	<i>FERMT2</i>	0.730	4.08E-02
<i>LINC00339</i>	-0.508	3.56E-02	<i>WDFY4</i>	0.673	4.08E-02
<i>FCN1</i>	1.104	3.57E-02	<i>RASSF2</i>	0.625	4.08E-02
<i>DEF6</i>	1.038	3.57E-02	<i>SLC40A1</i>	0.623	4.08E-02
<i>KIAA0922</i>	0.561	3.57E-02	<i>CPE</i>	0.565	4.08E-02
<i>ART3</i>	0.241	3.57E-02	<i>NXN</i>	0.365	4.08E-02
<i>ZNF311</i>	-0.442	3.57E-02	<i>TNPO3</i>	-0.445	4.08E-02
<i>RARRES2</i>	0.793	3.58E-02	<i>MED27</i>	-0.465	4.08E-02
<i>SIRPB2</i>	0.687	3.58E-02	<i>BTN3A2</i>	0.693	4.09E-02
<i>PCOLCE2</i>	0.312	3.58E-02	<i>ADAMTS5</i>	0.520	4.09E-02
<i>MARK4</i>	-0.642	3.58E-02	<i>ACO1</i>	0.510	4.09E-02
<i>TEF</i>	-0.644	3.58E-02	<i>COMP</i>	0.475	4.09E-02
<i>C12orf52</i>	-0.705	3.58E-02	<i>SLC25A14</i>	-0.395	4.09E-02
<i>BIN1</i>	0.718	3.59E-02	<i>PAX9</i>	-0.400	4.09E-02
<i>CDC42BPA</i>	-0.586	3.60E-02	<i>SAPCD2</i>	-0.527	4.09E-02
<i>SGPP1</i>	1.096	3.61E-02	<i>C1orf53</i>	-0.437	4.10E-02
<i>DDX26B</i>	0.893	3.61E-02	<i>C9orf47</i>	-0.450	4.10E-02
<i>RRAS2</i>	0.550	3.61E-02	<i>SNX9</i>	0.613	4.11E-02
<i>MTA3</i>	-0.523	3.61E-02	<i>GFII</i>	0.410	4.11E-02
<i>EFHD2</i>	1.406	3.62E-02	<i>CPNE5</i>	0.347	4.11E-02
<i>ADAM19</i>	0.880	3.62E-02	<i>LIPG</i>	0.215	4.11E-02

<i>BATF</i>	0.871	3.62E-02	<i>ZNF677</i>	0.190	4.11E-02
<i>MARC1</i>	-0.517	3.62E-02	<i>THNSL2</i>	-0.388	4.11E-02
<i>FAM63A</i>	-0.617	3.62E-02	<i>MARK4</i>	-0.465	4.11E-02
<i>C1orf64</i>	-0.654	3.62E-02	<i>ANKRD26</i>	-0.485	4.11E-02
<i>TRIM38</i>	1.390	3.63E-02	<i>LCK</i>	0.593	4.12E-02
<i>FAM117A</i>	0.593	3.63E-02	<i>TIFAB</i>	0.573	4.12E-02
<i>KIAA1383</i>	-0.468	3.63E-02	<i>C4orf32</i>	0.427	4.13E-02
<i>EDEM1</i>	0.872	3.64E-02	<i>SLC43A1</i>	0.338	4.13E-02
<i>PPP1R14A</i>	-0.535	3.64E-02	<i>HOXB7</i>	0.128	4.13E-02
<i>TCAMIP</i>	0.198	3.65E-02	<i>DPM3</i>	-0.520	4.13E-02
<i>AGAP11</i>	-0.467	3.65E-02	<i>STARD8</i>	0.580	4.14E-02
<i>FAM110B</i>	-0.531	3.65E-02	<i>MYO1B</i>	0.570	4.14E-02
<i>ATF7IP2</i>	0.557	3.66E-02	<i>SLIT2</i>	0.540	4.14E-02
<i>PPAPDC1A</i>	0.448	3.66E-02	<i>CYTL1</i>	0.245	4.14E-02
<i>TFPI2</i>	0.428	3.66E-02	<i>RAB38</i>	0.195	4.14E-02
<i>TNNC1</i>	-0.452	3.66E-02	<i>KCNQ5</i>	-0.317	4.14E-02
<i>MCF2L-AS1</i>	-0.535	3.66E-02	<i>ZNF354C</i>	-0.327	4.14E-02
<i>CHAD</i>	-0.601	3.66E-02	<i>CCDC121</i>	-0.430	4.14E-02
<i>IFI35</i>	1.474	3.67E-02	<i>MOV10L1</i>	-0.443	4.14E-02
<i>FOXO1</i>	0.681	3.67E-02	<i>HCN3</i>	-0.467	4.14E-02
<i>DDIT4L</i>	-0.460	3.67E-02	<i>ADAD2</i>	-0.547	4.14E-02
<i>LCE1E</i>	-0.598	3.67E-02	<i>DNASE1L3</i>	0.345	4.15E-02
<i>HPN</i>	-0.614	3.67E-02	<i>NOSTRIN</i>	0.333	4.15E-02
<i>PTGER2</i>	0.452	3.68E-02	<i>C1orf220</i>	-0.403	4.15E-02
<i>ATP7B</i>	-0.558	3.68E-02	<i>CHTF18</i>	-0.547	4.15E-02
<i>SH3BP5</i>	0.624	3.69E-02	<i>PTPRG</i>	0.453	4.16E-02
<i>STARD13</i>	-0.578	3.69E-02	<i>EPN2</i>	-0.380	4.16E-02
<i>R3HDML</i>	-0.638	3.69E-02	<i>CACNB2</i>	-0.418	4.16E-02
<i>DGAT1</i>	-0.687	3.69E-02	<i>MTERFD1</i>	-0.553	4.16E-02
<i>BST1</i>	0.636	3.70E-02	<i>CALHM2</i>	0.688	4.17E-02
<i>ABCA1IP</i>	-0.563	3.70E-02	<i>EPHA7</i>	-0.363	4.17E-02
<i>COL15A1</i>	0.723	3.71E-02	<i>GRIK1-AS1</i>	-0.387	4.17E-02
<i>RUSC2</i>	-0.706	3.71E-02	<i>LDB1</i>	-0.438	4.17E-02
<i>MBP</i>	0.480	3.72E-02	<i>C14orf149</i>	0.413	4.18E-02
<i>SLC9B2</i>	0.435	3.72E-02	<i>ENPEP</i>	0.248	4.18E-02
<i>KIR3DL3</i>	0.410	3.72E-02	<i>IL13RA2</i>	0.230	4.18E-02
<i>LOC84856</i>	0.362	3.72E-02	<i>PPP2R2D</i>	-0.353	4.18E-02
<i>RAB38</i>	0.296	3.72E-02	<i>ADIPOR1</i>	-0.423	4.18E-02
<i>CCDC153</i>	-0.604	3.72E-02	<i>NDUFB9</i>	-0.493	4.18E-02
<i>AARS2</i>	-0.645	3.72E-02	<i>IFNAR2</i>	0.433	4.19E-02
<i>C10orf54</i>	1.545	3.73E-02	<i>FAM124B</i>	0.415	4.19E-02
<i>MYD88</i>	1.249	3.73E-02	<i>RAP1GAP2</i>	-0.328	4.19E-02
<i>RUNX1-IT1</i>	0.651	3.73E-02	<i>RFC3</i>	-0.550	4.19E-02
<i>AGMAT</i>	0.424	3.73E-02	<i>BPNT1</i>	-0.417	4.20E-02
<i>TMPRSS3</i>	0.278	3.73E-02	<i>THAP7</i>	-0.498	4.20E-02
<i>HOXB6</i>	-0.393	3.73E-02	<i>CYR61</i>	0.643	4.21E-02
<i>DOCK1</i>	-0.581	3.73E-02	<i>LRCH2</i>	0.487	4.21E-02
<i>CCDC121</i>	-0.590	3.73E-02	<i>ARFIP2</i>	-0.450	4.21E-02
<i>TSPY26P</i>	-0.609	3.73E-02	<i>NAAA</i>	0.405	4.22E-02
<i>CCNYL1</i>	1.057	3.74E-02	<i>SCN3A</i>	0.243	4.22E-02
<i>SH2D4A</i>	-0.471	3.74E-02	<i>C15orf41</i>	-0.380	4.22E-02

<i>ACAD10</i>	-0.642	3.74E-02	<i>PTPN7</i>	0.580	4.23E-02
<i>FGR</i>	1.337	3.75E-02	<i>MTUS1</i>	0.495	4.23E-02
<i>STX11</i>	1.062	3.75E-02	<i>LGALS2</i>	0.413	4.23E-02
<i>EPHB2</i>	0.817	3.75E-02	<i>LAX1</i>	0.408	4.23E-02
<i>PSAT1</i>	0.545	3.75E-02	<i>MFHAS1</i>	0.300	4.23E-02
<i>CYBA</i>	1.235	3.76E-02	<i>IFT172</i>	-0.413	4.23E-02
<i>CHST7</i>	0.383	3.76E-02	<i>MRGPRF</i>	0.573	4.24E-02
<i>CGN</i>	-0.583	3.76E-02	<i>TREX2</i>	-0.465	4.24E-02
<i>CD84</i>	1.227	3.77E-02	<i>LPAR2</i>	-0.470	4.24E-02
<i>C12orf50</i>	0.189	3.77E-02	<i>CEBPA</i>	0.438	4.25E-02
<i>DCDC2</i>	-0.454	3.78E-02	<i>TSPAN2</i>	0.350	4.25E-02
<i>CD3E</i>	1.207	3.79E-02	<i>OR51B2</i>	-0.490	4.25E-02
<i>C5AR1</i>	0.915	3.79E-02	<i>LTBP2</i>	0.860	4.26E-02
<i>NDRG3</i>	-0.552	3.79E-02	<i>SYNPO2</i>	0.637	4.26E-02
<i>ZNF84</i>	-0.744	3.79E-02	<i>ZNF516</i>	-0.415	4.26E-02
<i>LRRC2</i>	0.282	3.80E-02	<i>RRNAD1</i>	-0.483	4.26E-02
<i>GCA</i>	1.107	3.81E-02	<i>HPSE</i>	0.383	4.27E-02
<i>FAIM3</i>	0.810	3.81E-02	<i>PDE4DIP</i>	0.265	4.27E-02
<i>GAS1</i>	0.686	3.81E-02	<i>VPRBP</i>	-0.423	4.27E-02
<i>MAP7</i>	-0.533	3.81E-02	<i>CYHR1</i>	-0.510	4.27E-02
<i>SLC25A43</i>	0.838	3.82E-02	<i>SIRPG</i>	0.498	4.28E-02
<i>ERMN</i>	0.272	3.82E-02	<i>CDR1</i>	0.165	4.28E-02
<i>PECAM1</i>	1.122	3.83E-02	<i>KAT2A</i>	-0.480	4.28E-02
<i>ANKFY1</i>	0.919	3.83E-02	<i>CHCHD6</i>	-0.480	4.28E-02
<i>CD180</i>	0.861	3.83E-02	<i>EPHB2</i>	0.560	4.29E-02
<i>IGFBP3</i>	0.593	3.83E-02	<i>RARRES1</i>	0.348	4.29E-02
<i>KIAA1328</i>	-0.454	3.83E-02	<i>RASSF6</i>	0.177	4.29E-02
<i>TRAF3IP2</i>	-0.476	3.83E-02	<i>SEMA3C</i>	0.605	4.30E-02
<i>ATPBD4</i>	-0.626	3.83E-02	<i>IL6</i>	0.530	4.30E-02
<i>GRIN2C</i>	-0.629	3.83E-02	<i>PFKFB3</i>	0.448	4.30E-02
<i>LPCAT2</i>	0.885	3.84E-02	<i>GRK4</i>	-0.393	4.30E-02
<i>LINC00341</i>	0.601	3.84E-02	<i>UBXN2A</i>	-0.403	4.30E-02
<i>PP7080</i>	-0.547	3.85E-02	<i>S100A4</i>	0.635	4.31E-02
<i>SFXN4</i>	-0.673	3.85E-02	<i>TCEAL7</i>	0.397	4.31E-02
<i>PTPN6</i>	1.170	3.86E-02	<i>C1orf74</i>	-0.373	4.31E-02
<i>SLC6A6</i>	0.604	3.86E-02	<i>KIF20A</i>	-0.515	4.31E-02
<i>VPS37C</i>	-0.548	3.86E-02	<i>LOXL1</i>	0.565	4.32E-02
<i>TBX21</i>	0.825	3.87E-02	<i>TMEM204</i>	0.493	4.32E-02
<i>RBM24</i>	-0.494	3.87E-02	<i>UBE2E3</i>	0.435	4.32E-02
<i>NCDN</i>	-0.665	3.87E-02	<i>AIM1</i>	0.398	4.32E-02
<i>TNFRSF11A</i>	0.281	3.88E-02	<i>FILIP1</i>	0.310	4.32E-02
<i>AGPAT6</i>	-0.501	3.88E-02	<i>NUAK2</i>	0.268	4.32E-02
<i>LIN7B</i>	-0.596	3.88E-02	<i>ZNF804A</i>	0.178	4.32E-02
<i>RARRES3</i>	1.069	3.89E-02	<i>LAMB2P1</i>	-0.460	4.32E-02
<i>PTPRS</i>	-0.578	3.89E-02	<i>LST1</i>	0.840	4.33E-02
<i>PLXDC2</i>	0.779	3.90E-02	<i>TINF2</i>	0.623	4.33E-02
<i>ABCC1</i>	0.557	3.90E-02	<i>ANKFY1</i>	0.600	4.33E-02
<i>SGPP2</i>	0.274	3.90E-02	<i>SPOCD1</i>	0.520	4.33E-02
<i>IL12RB2</i>	0.268	3.90E-02	<i>DDB2</i>	0.380	4.33E-02
<i>CSPP1</i>	-0.669	3.90E-02	<i>PPAP2C</i>	-0.390	4.33E-02
<i>PPARGC1B</i>	0.363	3.91E-02	<i>JUP</i>	-0.425	4.33E-02

<i>PCDHGB7</i>	-0.416	3.91E-02	<i>MRGPRX2</i>	-0.437	4.33E-02
<i>SRG7</i>	-0.482	3.91E-02	<i>PPFIA3</i>	-0.475	4.33E-02
<i>HEATR6</i>	-0.505	3.91E-02	<i>RBMS1</i>	0.715	4.34E-02
<i>PIK3C2G</i>	-0.581	3.91E-02	<i>LRRK1</i>	0.328	4.35E-02
<i>KAT2A</i>	-0.662	3.91E-02	<i>PNLIPRP3</i>	0.190	4.35E-02
<i>CHFR</i>	0.608	3.92E-02	<i>PRSS16</i>	-0.363	4.35E-02
<i>ZNF717</i>	-0.553	3.92E-02	<i>BATF3</i>	0.463	4.36E-02
<i>SLX4</i>	-0.648	3.92E-02	<i>JAKMIP2</i>	0.210	4.36E-02
<i>TMEM87A</i>	-0.682	3.92E-02	<i>HOTAIR</i>	-0.287	4.36E-02
<i>NUMA1</i>	-0.713	3.92E-02	<i>CAMTA1</i>	-0.343	4.36E-02
<i>IRF9</i>	1.436	3.93E-02	<i>IRAK1BP1</i>	-0.443	4.36E-02
<i>IL33</i>	0.494	3.93E-02	<i>CD248</i>	0.755	4.37E-02
<i>SGCZ</i>	-0.468	3.93E-02	<i>CD33</i>	0.705	4.37E-02
<i>LACE1</i>	-0.442	3.94E-02	<i>RGS4</i>	0.643	4.37E-02
<i>NACA2</i>	-0.500	3.94E-02	<i>RUNX1T1</i>	0.623	4.37E-02
<i>POF1B</i>	-0.454	3.95E-02	<i>TRAMIL1</i>	-0.380	4.37E-02
<i>KIAA1671</i>	-0.470	3.95E-02	<i>BCMO1</i>	-0.395	4.37E-02
<i>ZNF35</i>	-0.490	3.95E-02	<i>PBX1</i>	-0.438	4.37E-02
<i>SRSF6</i>	-0.615	3.95E-02	<i>GNS</i>	0.943	4.38E-02
<i>KRT32</i>	-0.659	3.95E-02	<i>ATP8B2</i>	0.478	4.38E-02
<i>VASH1</i>	0.692	3.96E-02	<i>SLC35G2</i>	0.353	4.38E-02
<i>CBLN3</i>	0.592	3.96E-02	<i>C18orf34</i>	0.347	4.38E-02
<i>GDEP</i>	-0.585	3.96E-02	<i>BAIAP2</i>	-0.470	4.38E-02
<i>DIP2B</i>	-0.643	3.96E-02	<i>MSRB3</i>	0.680	4.39E-02
<i>PPP3CC</i>	0.913	3.97E-02	<i>KLF10</i>	0.638	4.39E-02
<i>TNFRSF10B</i>	0.600	3.97E-02	<i>TTPA</i>	-0.348	4.39E-02
<i>FAM54B</i>	-0.650	3.97E-02	<i>C2orf61</i>	-0.353	4.39E-02
<i>REPIN1</i>	-0.570	3.98E-02	<i>C4orf3</i>	0.773	4.40E-02
<i>CCDC78</i>	-0.609	3.98E-02	<i>CXCL10</i>	0.520	4.40E-02
<i>ANKRD50</i>	-0.620	3.98E-02	<i>STBD1</i>	0.305	4.40E-02
<i>FLJ13197</i>	-0.649	3.98E-02	<i>CALD1</i>	0.805	4.41E-02
<i>ACOT9</i>	0.969	3.99E-02	<i>KDELC2</i>	0.650	4.41E-02
<i>RASGRP2</i>	0.825	3.99E-02	<i>TSPAN11</i>	0.377	4.41E-02
<i>DGCR2</i>	-0.563	3.99E-02	<i>IL12RB2</i>	-0.323	4.41E-02
<i>RPL32P3</i>	-0.590	3.99E-02	<i>TMEM194A</i>	-0.510	4.41E-02
<i>RAB8B</i>	1.581	4.00E-02	<i>GCH1</i>	0.638	4.42E-02
<i>DKK1</i>	0.414	4.00E-02	<i>ERVW-1</i>	0.140	4.42E-02
<i>LOC90246</i>	-0.539	4.00E-02	<i>SELPLG</i>	0.890	4.43E-02
<i>RASSF9</i>	0.472	4.01E-02	<i>CAV2</i>	0.650	4.43E-02
<i>PDK1</i>	0.452	4.01E-02	<i>CALCRL</i>	0.550	4.43E-02
<i>FAIM2</i>	-0.669	4.01E-02	<i>PLA2G4C</i>	0.450	4.43E-02
<i>FCAMR</i>	0.423	4.02E-02	<i>TMEM132C</i>	0.353	4.43E-02
<i>STUB1</i>	-0.752	4.02E-02	<i>NPTX2</i>	0.158	4.43E-02
<i>UPP1</i>	0.865	4.03E-02	<i>PFDN4</i>	-0.485	4.43E-02
<i>SPATS2L</i>	0.783	4.03E-02	<i>CDKN1A</i>	0.715	4.44E-02
<i>GNAI2</i>	0.562	4.03E-02	<i>SETD7</i>	0.623	4.44E-02
<i>PYDC1</i>	0.277	4.03E-02	<i>NFKB1</i>	0.615	4.44E-02
<i>CDH20</i>	-0.488	4.03E-02	<i>KIAA0930</i>	0.533	4.44E-02
<i>TSNARE1</i>	-0.628	4.03E-02	<i>ABCG2</i>	0.223	4.44E-02
<i>DOK3</i>	1.007	4.04E-02	<i>DEPDC5</i>	-0.383	4.44E-02
<i>PRRX1</i>	0.924	4.04E-02	<i>PLIN1</i>	0.610	4.45E-02

<i>EGR3</i>	0.432	4.04E-02	<i>AMIGO2</i>	0.395	4.45E-02
<i>LINC00314</i>	-0.453	4.04E-02	<i>EDC3</i>	-0.438	4.45E-02
<i>CXXC4</i>	-0.473	4.04E-02	<i>DEFB1</i>	0.248	4.46E-02
<i>RBPMS2</i>	-0.476	4.04E-02	<i>KCNRG</i>	-0.307	4.46E-02
<i>IRF4</i>	0.982	4.05E-02	<i>ZNF711</i>	-0.423	4.46E-02
<i>CHL1</i>	0.358	4.05E-02	<i>CRYBG3</i>	0.613	4.47E-02
<i>KRT6C</i>	0.210	4.05E-02	<i>SNX10</i>	0.593	4.47E-02
<i>SNORA74A</i>	-0.594	4.05E-02	<i>PLN</i>	0.453	4.47E-02
<i>SNTA1</i>	-0.704	4.05E-02	<i>KIAA0125</i>	0.383	4.47E-02
<i>EPB41L2</i>	0.723	4.06E-02	<i>CBFA2T3</i>	0.240	4.47E-02
<i>SIRPB1</i>	0.720	4.06E-02	<i>ARX</i>	0.160	4.47E-02
<i>TRIM47</i>	0.762	4.07E-02	<i>IPPK</i>	-0.390	4.47E-02
<i>B3GNT5</i>	0.660	4.07E-02	<i>LLGL2</i>	-0.425	4.47E-02
<i>CLIC5</i>	0.565	4.07E-02	<i>PPM1M</i>	0.770	4.48E-02
<i>GRHL3</i>	0.402	4.07E-02	<i>SLC35G3</i>	-0.293	4.48E-02
<i>PLCE1</i>	-0.471	4.07E-02	<i>ZKSCAN2</i>	-0.343	4.48E-02
<i>ZNF471</i>	-0.493	4.07E-02	<i>ANKRD16</i>	-0.427	4.48E-02
<i>ZNF101</i>	0.539	4.08E-02	<i>LIG3</i>	-0.455	4.48E-02
<i>MOXD1</i>	0.710	4.09E-02	<i>HIST1H4C</i>	-0.465	4.48E-02
<i>KAT8</i>	-0.561	4.09E-02	<i>TIPIN</i>	-0.540	4.48E-02
<i>GSTZ1</i>	-0.615	4.09E-02	<i>MYCBP2</i>	0.788	4.49E-02
<i>LY9</i>	1.059	4.10E-02	<i>NUAK1</i>	0.558	4.49E-02
<i>NAT8L</i>	-0.570	4.10E-02	<i>PDE1A</i>	0.468	4.49E-02
<i>NELL1</i>	-0.584	4.10E-02	<i>GNLY</i>	0.410	4.49E-02
<i>AGBL5</i>	-0.627	4.10E-02	<i>TRIM69</i>	0.327	4.49E-02
<i>C17orf61</i>	-0.643	4.10E-02	<i>KCNMB4</i>	0.273	4.49E-02
<i>STARD10</i>	-0.651	4.10E-02	<i>FOXD2</i>	-0.403	4.49E-02
<i>ARHGAP27</i>	0.837	4.11E-02	<i>FZD9</i>	-0.520	4.49E-02
<i>C11orf87</i>	-0.474	4.11E-02	<i>PPIC</i>	0.640	4.50E-02
<i>ADIG</i>	-0.719	4.11E-02	<i>CXCL2</i>	0.470	4.50E-02
<i>CHD5</i>	-0.726	4.11E-02	<i>UBE2E2</i>	0.440	4.50E-02
<i>C19orf66</i>	1.233	4.12E-02	<i>DCLK1</i>	0.418	4.50E-02
<i>SEPT1</i>	0.704	4.12E-02	<i>GXYLT2</i>	0.407	4.50E-02
<i>BDH1</i>	-0.595	4.13E-02	<i>EBF3</i>	0.280	4.50E-02
<i>TELO2</i>	-0.776	4.13E-02	<i>SLC26A3</i>	0.153	4.50E-02
<i>MEOX2</i>	0.348	4.14E-02	<i>PI4K2A</i>	0.560	4.51E-02
<i>TIFA</i>	0.645	4.15E-02	<i>ANKH</i>	0.288	4.51E-02
<i>FAM129C</i>	0.514	4.15E-02	<i>INPP5D</i>	0.630	4.52E-02
<i>KSR2</i>	-0.540	4.15E-02	<i>RNF144A</i>	0.328	4.52E-02
<i>TRIM25</i>	0.648	4.16E-02	<i>PDGFA</i>	0.248	4.52E-02
<i>CCDC65</i>	-0.497	4.16E-02	<i>CCDC138</i>	-0.517	4.52E-02
<i>CRLF1</i>	-0.538	4.16E-02	<i>FNIP2</i>	0.557	4.53E-02
<i>MAN2A2</i>	-0.588	4.16E-02	<i>LRRC33</i>	0.440	4.53E-02
<i>ARRDC2</i>	0.801	4.17E-02	<i>ITGB6</i>	0.278	4.53E-02
<i>SLC24A4</i>	0.406	4.17E-02	<i>FBXL7</i>	0.530	4.54E-02
<i>MB21D2</i>	0.353	4.17E-02	<i>TMEM2</i>	0.493	4.54E-02
<i>BTRC</i>	-0.497	4.17E-02	<i>MZB1</i>	0.465	4.54E-02
<i>STK4</i>	0.879	4.18E-02	<i>ANXA2R</i>	0.277	4.54E-02
<i>GJA5</i>	0.606	4.18E-02	<i>TOP2A</i>	-0.530	4.54E-02
<i>KRT6A</i>	0.464	4.18E-02			
<i>CCDC67</i>	-0.492	4.18E-02			

<i>INADL</i>	-0.551	4.18E-02
<i>ARHGEF25</i>	-0.564	4.18E-02
<i>HECW2</i>	0.449	4.19E-02
<i>EID3</i>	0.323	4.19E-02
<i>CCBE1</i>	0.463	4.21E-02
<i>GPR82</i>	0.337	4.21E-02
<i>GJA9</i>	-0.533	4.21E-02
<i>CSNK1E</i>	-0.601	4.21E-02
<i>NCEH1</i>	0.982	4.22E-02
<i>AKIRIN2</i>	0.823	4.22E-02
<i>ZNFX1</i>	1.387	4.23E-02
<i>PPAP2B</i>	0.747	4.23E-02
<i>ARHGAP26</i>	0.568	4.23E-02
<i>FILIP1</i>	0.415	4.23E-02
<i>CD40LG</i>	0.914	4.24E-02
<i>TNFSF14</i>	0.802	4.24E-02
<i>ZAP70</i>	0.961	4.25E-02
<i>NECAB1</i>	0.169	4.25E-02
<i>RPAP1</i>	-0.603	4.25E-02
<i>CSDA</i>	0.461	4.26E-02
<i>PARM1</i>	0.457	4.26E-02
<i>SLC6A14</i>	0.243	4.26E-02
<i>PROK2</i>	0.216	4.26E-02
<i>AK7</i>	-0.466	4.26E-02
<i>GLB1L2</i>	-0.489	4.26E-02
<i>ZNF214</i>	-0.532	4.26E-02
<i>TECPR2</i>	-0.581	4.26E-02
<i>DPYD</i>	1.384	4.27E-02
<i>BTN2A1</i>	0.778	4.27E-02
<i>CPT1A</i>	-0.392	4.27E-02
<i>BEND2</i>	-0.456	4.27E-02
<i>SERPINA1</i>	0.837	4.28E-02
<i>CAMSAP3</i>	-0.687	4.28E-02
<i>DOK2</i>	1.268	4.29E-02
<i>CREM</i>	0.645	4.29E-02
<i>ALPK1</i>	0.955	4.30E-02
<i>RNASE2</i>	0.637	4.30E-02
<i>TRIM36</i>	-0.451	4.30E-02
<i>RGS16</i>	0.493	4.31E-02
<i>TNFSF9</i>	0.365	4.31E-02
<i>PPARGC1A</i>	-0.480	4.31E-02
<i>PRR15L</i>	-0.563	4.31E-02
<i>KIAA1737</i>	-0.653	4.31E-02
<i>STAT2</i>	1.131	4.32E-02
<i>SLC8A1</i>	0.953	4.32E-02
<i>SAPCD1</i>	-0.645	4.32E-02
<i>AQP9</i>	0.928	4.33E-02
<i>ARMC9</i>	-0.428	4.33E-02
<i>ST6GALNAC2</i>	-0.499	4.33E-02
<i>ZSCAN2</i>	-0.524	4.33E-02
<i>ABHD12</i>	-0.556	4.33E-02

<i>CLEC4F</i>	-0.564	4.33E-02
<i>FGF19</i>	-0.584	4.33E-02
<i>FLJ44342</i>	-0.662	4.33E-02
<i>LINC00589</i>	-0.683	4.33E-02
<i>C11orf35</i>	-0.720	4.33E-02
<i>BACE2</i>	0.404	4.34E-02
<i>CA12</i>	-0.504	4.34E-02
<i>CXCL12</i>	0.881	4.35E-02
<i>KCNJ10</i>	0.816	4.35E-02
<i>ENPP6</i>	0.188	4.35E-02
<i>FGFRL1</i>	-0.619	4.35E-02
<i>IFI27L2</i>	0.827	4.36E-02
<i>LMO4</i>	0.295	4.36E-02
<i>VEGFC</i>	0.744	4.37E-02
<i>S100A9</i>	0.697	4.37E-02
<i>BEND7</i>	-0.455	4.37E-02
<i>IL17D</i>	-0.528	4.37E-02
<i>METRN</i>	-0.689	4.37E-02
<i>CD68</i>	1.063	4.38E-02
<i>TBC1D1</i>	0.411	4.38E-02
<i>SPIC</i>	0.059	4.38E-02
<i>SPATA6L</i>	-0.482	4.38E-02
<i>BEST3</i>	-0.528	4.38E-02
<i>RNF141</i>	-0.631	4.38E-02
<i>ABCA1</i>	0.931	4.39E-02
<i>RAB7L1</i>	0.599	4.39E-02
<i>POLH</i>	-0.481	4.39E-02
<i>IPW</i>	-0.637	4.39E-02
<i>CPM</i>	0.421	4.40E-02
<i>PGAP2</i>	-0.578	4.40E-02
<i>CDC42BPB</i>	-0.599	4.40E-02
<i>XIRP1</i>	0.807	4.41E-02
<i>GABRG1</i>	-0.501	4.41E-02
<i>TMEM201</i>	-0.671	4.41E-02
<i>ABI3BP</i>	0.760	4.42E-02
<i>ZNF625</i>	-0.459	4.42E-02
<i>CMYA5</i>	-0.556	4.42E-02
<i>KRTAP17-1</i>	-0.691	4.43E-02
<i>BLK</i>	0.487	4.44E-02
<i>C15orf26</i>	-0.424	4.44E-02
<i>FAM81A</i>	-0.474	4.44E-02
<i>MIR600HG</i>	-0.609	4.44E-02
<i>DACT1</i>	0.499	4.45E-02
<i>FAM9B</i>	-0.432	4.45E-02
<i>RASSF8</i>	-0.454	4.45E-02
<i>C9orf24</i>	-0.584	4.45E-02
<i>KLHDC10</i>	-0.498	4.46E-02
<i>ACSL4</i>	1.153	4.47E-02
<i>NUS1</i>	0.582	4.47E-02
<i>RBPJ</i>	0.552	4.47E-02
<i>ATP11A</i>	0.398	4.47E-02

<i>SPCS3</i>	1.165	4.48E-02
<i>KCNT2</i>	0.591	4.48E-02
<i>GNL1</i>	-0.530	4.48E-02
<i>S100A4</i>	0.894	4.49E-02
<i>ADPRH</i>	0.747	4.49E-02
<i>ZNF804A</i>	0.251	4.50E-02
<i>M6PR</i>	1.064	4.51E-02
<i>RGL1</i>	1.003	4.51E-02
<i>KLHL29</i>	0.392	4.51E-02
<i>TMEM232</i>	-0.456	4.51E-02
<i>SULF1</i>	0.916	4.52E-02
<i>ING1</i>	0.328	4.52E-02
<i>C1orf101</i>	-0.538	4.52E-02
<i>PPM1J</i>	-0.552	4.52E-02
<i>MID2</i>	-0.592	4.52E-02
<i>PPP2R2B</i>	0.302	4.53E-02
<i>TEKT2</i>	-0.560	4.53E-02
<i>C10orf116</i>	-0.574	4.53E-02
<i>STK10</i>	1.217	4.54E-02
<i>LPAR6</i>	0.946	4.54E-02
<i>CYFIP2</i>	0.602	4.54E-02
<i>CRIP2</i>	-0.589	4.54E-02
<i>NUDT14</i>	-0.628	4.54E-02
<i>ADAMTS18</i>	-0.630	4.54E-02

Supplementary Table 6. Univariate Cox regression analysis of AXL and CD163 for relapse-free survival and overall survival in triple-negative breast cancer (N = 203).

<i>Variable</i>	<i>HR</i>	<i>95% CI</i>	<i>P-value</i> ^a	<i>HR</i>	<i>95% CI</i>	<i>P-value</i> ^a
<i>Relapse-Free Survival</i>			<i>Overall Survival</i>			
AXL	3.19	1.66 – 6.14	5.00E-04	3.16	1.64 – 6.08	6.00E-04
CD163	2.02	1.06 – 3.85	3.29E-02	1.75	0.92 – 3.31	8.65E-02

Abbreviations: CI, Confidence interval; HR, Hazard ratio.

^aSignificant *P*-values are given in bold.

Supplementary Table 7. Multivariate Cox regression analysis of AXL for relapse-free survival and overall survival in the validation cohort of triple-negative breast cancer (N = 95)

<i>Variable</i>	<i>HR</i>	<i>95% CI</i>	<i>P-value</i> ^a	<i>HR</i>	<i>95% CI</i>	<i>P-value</i> ^a
	<i>Relapse-Free Survival</i>			<i>Overall Survival</i>		
AXL	6.05	1.93 – 18.72	1.80E-03	6.09	2.12 – 17.54	8.00E-04
Age	0.87	0.32 – 2.36	7.86E-01	0.89	0.35 – 2.25	8.01E-01
Grade	1.54	0.42 – 5.57	5.12E-01	2.01	0.55 – 7.32	2.90E-01
Nodal status	5.96	1.16 – 30.57	3.20E-02	3.99	1.05 – 15.19	4.20E-02
Tumor size	1.69	0.63 – 4.54	2.96E-01	1.43	0.53 – 3.85	4.76E-01
Tumor stage	1.12	0.36 – 3.51	8.44E-01	1.01	0.31 – 3.21	9.93E-01

Abbreviations: CI, Confidence interval; HR, Hazard ratio.

^aSignificant *P*-values are given in bold.

Supplementary Table 8. Multivariate Cox regression analysis of AXL evaluated as a continuous variable for relapse-free survival and overall survival in the discovery (N = 203) and validation (N = 95) cohort of triple-negative breast cancer.

<i>Variable</i>	<i>HR</i>	<i>95% CI</i>	<i>P-value^a</i>	<i>HR</i>	<i>95% CI</i>	<i>P-value^a</i>
<i>Relapse-Free Survival</i>			<i>Overall Survival</i>			
Discovery cohort						
AXL	1.25	1.07 – 1.46	3.39E-03	1.32	1.13 – 1.53	5.00E-04
Age	0.95	0.50 – 1.82	8.81E-01	1.09	0.57 – 2.07	8.05E-01
Grade	1.60	0.65 – 3.90	3.04E-01	1.93	0.78 – 4.74	1.54E-01
Nodal status	2.67	1.07 – 6.67	3.49E-02	1.37	0.61 – 3.08	4.42E-01
Tumor size	1.51	0.78 – 2.91	2.18E-01	1.14	0.60 – 2.17	6.91E-01
Tumor stage	1.71	0.80 – 3.68	1.66E-01	1.22	0.52 – 2.87	6.49E-01
Validation cohort						
AXL	1.42	1.12 – 1.81	4.44E-03	1.44	1.13 – 1.83	3.00E-03
Age	1.20	0.44 – 3.30	7.23E-01	1.24	0.47 – 3.26	6.65E-01
Grade	1.54	0.42 – 5.62	5.14E-01	1.91	0.53 – 6.97	3.25E-01
Nodal status	5.65	1.06 – 30.24	4.30E-02	3.44	0.88 – 13.42	7.58E-02
Tumor size	1.47	0.51 – 4.27	4.78E-01	1.20	0.43 – 3.35	7.34E-01
Tumor stage	0.97	0.32 – 2.93	9.52E-01	0.88	0.29 – 2.65	8.23E-01

Abbreviations: CI, Confidence Interval; HR, Hazard Ratio.

^aSignificant *P*-values (Fisher's exact test) are given in bold.

Multivariate analysis adjusted for age (≥ 50 v < 50), histological grade (G3 v G1-2), nodal status (1 v 0), tumor size (> 20 mm v ≤ 20 mm), and tumor stage (III v I-II).

Supplementary Table 9. List of TaqMan gene expression assays used in this study.

<i>Assay ID</i>	<i>Gene Symbol</i>	<i>Gene Name</i>
Hs00178289_m1	<i>AKT1</i>	v-akt murine thymoma viral oncogene homolog 1
Hs01086102_m1	<i>AKT2</i>	v-akt murine thymoma viral oncogene homolog 2
Hs01064444_m1	<i>AXL</i>	AXL receptor tyrosine kinase
Hs00234140_m1	<i>CCL2</i>	chemokine (C-C motif) ligand 2
Hs00174575_m1	<i>CCL5</i>	chemokine (C-C motif) ligand 5
Hs01023894_m1	<i>CDH1</i>	E- cadherin
Hs00174164_m1	<i>CSF1</i>	colony stimulating factor 1
Hs00171266_m1	<i>CSF2</i>	colony stimulating factor 2
Hs00171042_m1	<i>CXCL10</i>	chemokine (C-X-C motif) ligand 10
Hs01058430_m1	<i>DDR1</i>	discoidin domain receptor tyrosine kinase 1
Hs01025953_m1	<i>DDR2</i>	discoidin domain receptor tyrosine kinase 2
Hs01076078_m1	<i>EGFR</i>	epidermal growth factor receptor
Hs00946872_m1	<i>ERK1</i>	mitogen-activated protein kinase 3
Hs01046830_m1	<i>ERK2</i>	mitogen-activated protein kinase 1
Hs01056457_m1	<i>FAK</i>	protein tyrosine kinase 2
Hs00915142_m1	<i>FGFR1</i>	fibroblast growth factor receptor 1
Hs01552926_m1	<i>FGFR2</i>	fibroblast growth factor receptor 2
Hs00179829_m1	<i>FGFR3</i>	fibroblast growth factor receptor 3
Hs00941600_m1	<i>FYN</i>	FYN oncogene related to SRC
Hs02758991_g1	<i>GAPDH</i>	glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase
Hs01047719_m1	<i>GSK3B</i>	glycogen synthase kinase 3 beta
Hs00174143_m1	<i>IFNG</i>	interferon gamma
Hs00609566_m1	<i>IGF1R</i>	insulin-like growth factor 1 receptor
Hs00989502_m1	<i>IKKA</i>	conserved helix-loop-helix ubiquitous kinase
Hs00233287_m1	<i>IKKB</i>	inhibitor of kappa light polypeptide gene enhancer in B-cells, kinase beta
Hs00174086_m1	<i>IL10</i>	interleukin 10
Hs00174379_m1	<i>IL13</i>	interleukin 13
Hs00174122_m1	<i>IL4</i>	interleukin 4
Hs00174131_m1	<i>IL6</i>	interleukin 6
Hs00174103_m1	<i>IL8</i>	interleukin 8
Hs00176719_m1	<i>LYN</i>	LYN proto-oncogene, Src family tyrosine kinase
Hs00361185_m1	<i>KRT5</i>	keratin 5, type II
Hs04194231_s1	<i>KRT6A</i>	keratin 6A, type II
Hs01565584_m1	<i>MET</i>	met proto-oncogene
Hs00968300_g1	<i>OSM</i>	oncostatin M
Hs00998018_m1	<i>PDGFRA</i>	platelet-derived growth factor receptor, alpha polypeptide
Hs01019589_m1	<i>PDGFRB</i>	platelet-derived growth factor receptor, beta polypeptide
Hs00169444_m1	<i>PTK2B</i>	protein tyrosine kinase 2 beta

Hs01082246_m1	<i>SRC</i>	SRC proto-oncogene, non-receptor tyrosine kinase
Hs00895377_m1	<i>SYK</i>	spleen tyrosine kinase
Hs00171257_m1	<i>TGFB1</i>	transforming growth factor beta 1
Hs00234244_m1	<i>TGFB2</i>	transforming growth factor beta 2
Hs00610320_m1	<i>TGFBRI</i>	transforming growth factor, beta receptor 1
Hs00234253_m1	<i>TGFBRII</i>	transforming growth factor, beta receptor 2
Hs01052961_m1	<i>VEGFR1</i>	fms-related tyrosine kinase 1
Hs00911700_m1	<i>VEGFR2</i>	kinase insert domain receptor
Hs01047677_m1	<i>VEGFR3</i>	fms-related tyrosine kinase 4
Hs00185584_m1	<i>VIM</i>	vimentin
Hs01080045_g1	<i>YES1</i>	YES proto-oncogene 1, Src family tyrosine kinase
