

Supplementary Table S1. Genomic locations of the transgene insertions.

Construct	Line ID	Chr.	Cyt. band	Coord.	Location	Affected gene	Proximal gene	Distal gene
CG2175	A5	3L	67A1	9130609	5' UTR	<i>bol</i>		<i>Dhpr</i> , <i>Use1</i>
CG2175	A6	2R	58A3	21871723	inter		<i>comr</i>	<i>fili</i>
CG2175	A7	3R	97D2	26798725	inter			<i>Toll</i>
CG2175	A8	3L	62E3	2488721	intron	<i>CG45186</i>		<i>CG1146</i>
CG2175	A9	3L	79E3	22407744	5' UTR	<i>Ten-m</i>		
CG2175	A11	Auto	NA	NA	NA	NA	NA	NA
CG2175	A12	3R	92B4	19890040	inter		<i>ninaE</i>	<i>CG4733</i>
CG2175	A13	2L	25D6	5326408	5' UTR	<i>Ncoa6</i>		<i>cype</i> , <i>CG1402</i> , <i>TotM</i> , <i>fusl</i>
CG2175	A14	3L	70C5	13924935	intron	<i>Rgl</i>		<i>CG8833</i> , <i>DCTN1-</i> <i>p150</i>
CG2175	A15	2R	45B3	9185827	5' UTR / intron	<i>Rab32</i>		<i>CG8026</i> , <i>CG45085</i>
CG2175	A16	2L	33F4	12722477	exon	<i>MRP</i>	<i>Pih1D1</i>	
CG2175	A17	3R	84D9	7491848	intron	<i>alpha-</i> <i>Est10</i>		<i>CG42656</i> , <i>alpha-</i> <i>Est9</i>
CG2175	X1	X	1E1	991088	3'UTR	<i>CG18823</i>		
CG2175	X3	X	13C5	15498395	intron	<i>Gmap</i>		
CG2175	X4	X	2A1	1399908	inter		<i>CG11448</i>	
CG2175	X5	X	11B9	12663904	intron	<i>Tis-11</i>		
CG2175	X6	X	1C2	686754	inter			<i>sdk</i>
CG2175	X7	X	1E1	1033053	intron, 3'UTR, 3'UTR	<i>CG33082</i> , <i>su(w[a])</i> , <i>CG14630</i>	<i>CG3021</i> , <i>CDC45L</i>	
CG2175	X8	X	3B6	2789961	intron	<i>CG32795</i>	<i>kirre</i>	<i>kirre</i> , <i>w</i>
CG8982	A5	3L	78A1	20949523	exon	<i>fng</i>		
CG8982	A7	2R	47C5	10874742	5'UTR	<i>CG30015</i>		<i>nclb</i> , <i>Taf-</i> <i>5</i> , <i>Pex6</i>
CG8982	A10	3R	97E5	27151719	5'UTR	<i>Men-b</i>	<i>CG6051</i>	
CG8982	A11	2L	26D1	6412175	inter		<i>DIP-ε</i>	<i>CG13982</i> , <i>tig</i>
CG8982	A12	3R	90F11	18265277	inter			<i>CG18599</i>
CG8982	A13	2R	55F8	18878361	inter			<i>sano</i>
CG8982	A14	3R	85E1	9630283	intron	<i>Calr</i>	<i>CG8312</i> , <i>CG9427</i> , <i>CG8319</i>	<i>SpdS</i> , <i>Scm</i>

Supplementary Table S1. Continued.

CG8982	A15	2L	26D7	6474121	inter		<i>mmy</i>	CG9536,S <i>ec61alpha</i>
CG8982	A18	3L	70C10	13994467	inter		CG17364, CG9040	26-29-p, CG17361, CG17359, <i>Nprl3</i>
CG8982	A19	3R	85D18	9502532	5'UTR	<i>RhoL</i>		CG8149, <i>rump</i>
CG8982	A20	2L	35D4	15762704	5'UTR	<i>gli</i>		CG3793, <i>wek</i>
CG8982	A78	2L	39A5	21151340	inter			<i>del</i> , <i>E2f2</i> , <i>Mpp6</i>
CG8982	X1	X	9B6	10319322	intron	<i>alpha-Man- la</i>		
CG8982	X2	X	1C3	751606	intron, intron	CG5254, CG13362	<i>sdk</i>	CG13361
CG8982	X3	X	3F3	3836071	inter		<i>ec</i> , CG2901	<i>ec</i>
CG8982	X5	X	9E8	10772512	inter		<i>BTBD9</i> , <i>Atg8a</i>	CG15211
CG8982	X6	X	18A3	19153477	exon / 5' UTR	<i>RhoGAP18 B</i>		
CG8982	X7	X	13A9	15075188	intron	<i>Isd-2</i>		
CG8982	X8	X	9B1	10070909	inter		CG15312	ZAP3
CG15406	A1	2R	55E5	18652790	5' UTR / intron	<i>SP2637</i>		
CG15406	A2	2R	54B7	17420952	5' UTR / intron	<i>l(2)k01209</i>	<i>cnk</i>	CG6550
CG15406	A3	2L	21B2	114687	3' UTR	<i>Sam-S</i>		ND-15, CG1369, CG4822
CG15406	A4	3L	70A3	13227773	inter			<i>caps</i>
CG15406	A5	3R	91B5	18584322	intron, intron	<i>fray</i> , CG7694		
CG15406	A6	3R	86E15	11679653	5' UTR / intron	<i>Taf12</i>	CG18476, CG14715, CG42327	<i>Ho</i> , CG6830, CG6834
CG15406	A7	2L	29D1	8463898	5'UTR	<i>fu12</i>		<i>fu2</i> , <i>d</i>
CG15406	A8	2L	21E2	869818	5'UTR	<i>dbe</i>	<i>aru</i>	PNUTS
CG15406	A9	3R	96A14	24655309	inter		CG31125, <i>ash2</i> , <i>puf</i>	CG31126, <i>Ppox</i>
CG15406	A10	2R	56D5	19424096	5' UTR / intron	<i>hts</i>		<i>CalpA</i>

Supplementary Table S1. Continued.

<i>CG15406</i>	A11	2L	26C3	6338847	5'UTR	<i>Cpr</i>	<i>Pez</i>	
<i>CG15406</i>	A12	3R	83B6	5624328	5'UTR, 5'UTR	<i>Spec2</i> , <i>CG2911</i>		<i>RpL13A</i> , <i>CG31551</i>
<i>CG15406</i>	X1	X	6E4	6998582	inter		<i>Inx7</i>	<i>Inx2</i>
<i>CG15406</i>	X2	X	4C12	4678665	intron	<i>rap</i>		<i>Pp2C1</i>
<i>CG15406</i>	X3	X	9A3	9909354	3'UTR / intron	<i>CG1986</i>		
<i>CG15406</i>	X5	X	6E4	6982055	intron	<i>ogre</i>		<i>bou</i>
<i>CG15406</i>	X6	X	11F4	13404961	5'UTR	<i>GstT4</i>	<i>CG12725</i> , <i>CG1673</i>	<i>CG1998</i>
<i>CG15406</i>	X7	X	5D3	6074869	5'UTR	<i>Tsp5D</i>	<i>CG5928</i>	<i>CG4660</i> , <i>CG4666</i>