

Supplementary Figure 1. Gating strategy for Langerhans cells. Cells were gated on based on size and granularity, singlets, live cells, and CD3- cells to identify DCs. Within this population, cells were gated on CD1a+CD207+ cells to isolate Langerhans cells (bottom row, right). FMOs were run on random samples to confirm gating represented CD1a+CD207+ cells.

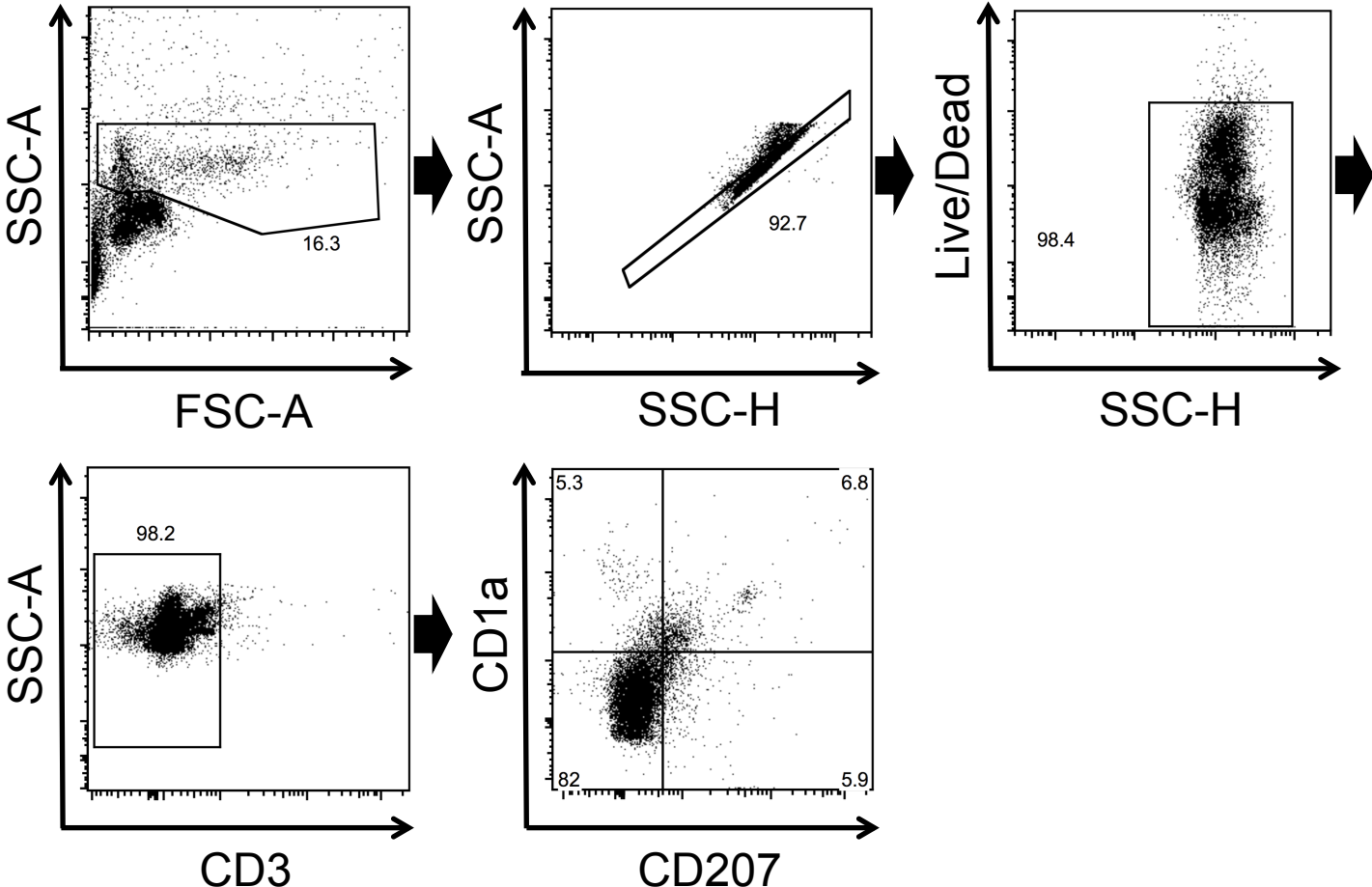


Table S1. Relative proportions of taxa observed in all samples

ID	Total reads	CST	<i>Lactobacillus iners</i>	<i>Gardnerella vaginalis</i>	<i>Lactobacillus crispatus</i>	<i>Atopobium vaginae</i>	<i>Lactobacillus gasseri</i>
1	5640	I	0.266	0.106	93.688	0.000	0.018
2	22019	I	0.114	0.023	96.067	0.000	0.000
3	28941	III-A	94.395	0.028	0.021	0.000	0.000
4	5519	III-B	77.242	0.054	0.054	0.000	0.725
5	3596	IV-A	10.957	45.634	0.028	0.056	0.195
6	13758	II	0.080	0.029	0.632	0.000	63.926
7	11609	IV-B	0.009	0.017	0.017	99.268	0.009
8	15670	IV-B	0.077	0.045	0.013	34.914	0.013
9	11509	III-B	54.201	0.035	40.438	0.009	0.000
10	13255	III-B	82.912	0.000	12.584	0.008	0.000
11	27287	IV-A	0.744	46.678	0.011	11.859	0.000
12	10744	IV-A	3.611	40.646	0.009	19.294	0.000
13	31258	IV-B	41.458	36.544	0.006	6.274	0.000
14	11410	III-B	62.805	0.228	33.514	0.000	0.000
15	11070	III-A	97.173	0.018	0.045	0.000	0.000
16	29647	I	0.064	0.017	97.207	0.007	0.000
17	15007	III-B	74.932	0.047	21.383	0.027	0.313
18	19148	IV-B	0.047	0.010	0.005	99.629	0.000
19	8825	III-A	88.635	0.261	0.023	0.011	0.011
20	13418	I	0.492	0.060	96.728	0.000	0.000
21	4640	I	0.129	0.108	97.284	0.022	0.000
22	6098	III-B	79.911	0.082	8.626	0.000	0.000
23	59	NA	18.644	8.475	8.475	6.780	0.000
24	14147	III-B	76.567	0.000	0.014	0.014	1.506
25	18034	III-A	99.373	0.011	0.050	0.006	0.000
26	18632	IV-B	38.353	34.511	0.054	3.666	0.000
27	27093	III-A	83.793	14.520	0.015	0.011	0.007
28	14515	IV-A	0.441	50.527	0.034	5.636	0.014
29	2080	IV-B	25.673	5.962	1.058	0.192	0.144
30	20645	IV-A	0.775	31.330	0.029	1.337	0.000
31	27589	IV-A	0.018	45.779	0.029	14.799	0.000
32	26945	IV-A	0.122	37.454	0.004	5.686	0.004
33	28412	III-B	78.826	18.506	0.004	0.767	0.000
34	23384	III-A	99.461	0.021	0.009	0.004	0.000
35	11623	IV-A	0.559	22.533	0.026	10.677	0.026
36	20980	III-A	99.113	0.491	0.038	0.005	0.005
37	24491	IV-B	0.016	41.244	0.008	40.741	0.004
38	2195	I	7.563	0.091	90.296	0.046	0.000
39	15868	III-A	94.139	0.038	0.006	0.019	0.044
40	20125	III-B	80.566	1.759	14.942	0.000	0.000
41	9921	IV-B	0.030	0.020	0.222	0.000	0.000
42	26873	IV-B	0.060	27.898	0.004	14.468	0.004
43	13753	III-B	52.774	0.385	0.102	0.000	0.000
44	21779	III-A	96.524	1.286	0.009	0.051	0.009
45	23306	III-A	94.710	0.116	0.047	0.039	0.017
46	12158	I	0.090	0.000	57.460	0.000	0.000
47	16904	IV-A	2.976	32.217	0.006	18.469	0.006
48	5149	IV-B	22.839	41.561	0.117	14.566	0.000
49	17385	II	0.029	0.006	0.040	0.006	75.945
50	17831	III-A	92.603	0.062	6.421	0.011	0.056
51	13968	IV-A	16.652	52.155	0.007	0.021	0.000
52	26258	III-A	99.433	0.011	0.004	0.004	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	BVAB2	BVAB1	<i>Lactobacillus jensenii</i>	<i>Bifidobacterium breve</i>	<i>Megasphaera sp. type 1</i>	<i>Prevotella genogroup 2</i>	<i>Sneathia sanguinegens</i>
1	0.000	0.000	3.723	0.000	0.000	0.018	0.000
2	0.005	0.000	0.227	0.000	0.000	0.005	0.000
3	0.000	0.000	4.623	0.007	0.000	0.007	0.093
4	0.000	0.000	19.170	0.000	0.000	0.000	0.054
5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.028	4.283	0.028
6	0.000	0.015	0.000	2.515	0.029	11.186	0.531
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.013	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.255
9	0.000	0.000	2.676	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.000	0.098	0.015	0.000	0.008	0.008
11	6.571	0.000	0.004	0.000	2.485	0.682	1.851
12	6.692	0.009	0.019	0.065	0.363	1.238	0.093
13	0.058	0.003	0.003	0.000	2.905	7.835	0.003
14	0.000	0.009	0.035	0.000	0.000	0.018	0.009
15	0.000	0.000	1.021	0.000	0.009	0.000	0.009
16	0.007	0.000	0.003	0.044	0.000	0.000	0.034
17	0.007	0.007	0.153	0.013	0.013	0.007	0.027
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.005
19	0.011	0.011	9.178	0.000	0.000	0.000	0.023
20	0.000	0.007	0.030	0.000	0.000	0.000	0.015
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	5.362	0.000	0.000	0.000	0.016
23	0.000	1.695	45.763	0.000	0.000	0.000	1.695
24	0.007	0.007	20.534	0.000	0.000	0.007	0.014
25	0.006	0.006	0.011	0.000	0.000	0.017	0.022
26	0.671	3.161	0.005	0.000	10.219	0.000	1.814
27	0.018	0.007	0.000	0.000	0.007	0.052	0.011
28	8.977	15.212	0.007	0.000	3.066	0.028	1.219
29	0.240	0.337	0.192	0.048	0.673	0.048	0.625
30	27.106	0.770	0.000	0.000	3.536	0.688	1.918
31	3.476	9.739	0.000	0.004	3.744	4.194	0.047
32	1.729	25.426	0.000	0.011	5.326	0.750	0.197
33	0.004	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.014
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.004
35	12.931	0.000	0.000	0.000	0.060	12.166	0.886
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.037
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	5.577	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.005	0.253	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.010	0.010	83.641	0.000	0.000	0.010
42	1.608	13.076	0.000	0.000	6.546	0.729	0.889
43	0.000	0.000	46.237	0.000	0.000	0.000	0.007
44	0.000	0.005	1.162	0.000	0.000	0.000	0.005
45	0.021	0.000	4.544	0.000	0.051	0.000	0.017
46	0.000	0.000	0.025	0.000	0.008	0.000	0.000
47	6.756	0.012	0.000	0.000	4.253	18.055	1.248
48	2.039	0.000	0.000	0.000	11.400	0.078	0.990
49	0.000	0.000	0.006	17.889	0.000	0.000	0.006
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.331
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.000	0.029
52	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.004	0.034
53	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Leptotrichia amnionii</i>	<i>Lactobacillus helveticus</i>	<i>Prevotella bivia</i>	<i>Dialister sp. type 2</i>	<i>Eggerthella</i>	<i>Prevotella genogroup 3</i>	<i>Mobiluncus mulieris</i>
1	0.000	1.454	0.018	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	2.907	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000
3	0.000	0.000	0.017	0.000	0.017	0.000	0.000
4	0.000	0.000	0.018	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.083	0.000	13.960	2.225	0.862	0.000	0.000
6	0.000	0.022	0.174	2.391	0.022	0.007	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	36.650	0.006	0.606	0.006	0.000
9	0.000	1.138	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.000	1.094	0.015	0.000	0.008	0.000	0.000
11	1.492	0.000	0.000	2.265	4.434	11.192	0.000
12	4.933	0.000	2.783	2.020	2.020	0.000	0.000
13	0.144	0.000	1.219	0.611	0.288	0.000	0.000
14	0.000	1.218	0.000	0.000	0.000	0.009	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.003	2.078	0.000	0.000	0.003	0.000	0.000
17	0.000	1.179	0.000	0.000	0.000	0.007	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.045	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.000	1.871	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	2.392	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	5.805	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.007	0.035	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.006	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.193	0.000	0.000	0.150	0.660	0.177	0.000
27	0.000	0.000	0.081	0.011	0.004	0.000	0.000
28	0.958	0.007	0.000	2.108	1.833	1.316	4.395
29	0.048	0.144	0.000	0.048	0.288	0.000	0.000
30	12.066	0.000	0.005	4.839	5.377	0.000	0.000
31	0.025	0.000	0.004	0.613	2.802	0.000	9.935
32	0.345	0.004	0.007	2.286	4.428	0.657	6.680
33	0.000	0.004	0.000	0.000	0.004	0.000	0.000
34	0.000	0.009	0.017	0.000	0.004	0.000	0.000
35	16.846	0.000	0.034	1.721	1.058	0.000	2.116
36	0.000	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.020	0.024	0.000
38	0.000	1.959	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.006	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000
40	0.089	0.671	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.007	0.000	0.804	1.057	0.841	5.880	0.000
43	0.000	0.000	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.014	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.013	0.000	0.000	0.000	0.000
46	0.000	42.178	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	2.053	0.000	0.396	2.739	0.793	0.000	0.006
48	2.292	0.039	0.000	0.602	0.388	0.660	0.000
49	0.000	0.000	0.184	0.000	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.275	0.000	0.000	0.000	0.006	0.000
51	2.670	0.000	0.086	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.004	0.004	0.008	0.000	0.008	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Prevotella genogroup 1</i>	<i>Aerococcus christensenii</i>	<i>Parvimonas micra</i>	<i>Mycoplasma hominis</i>	<i>Gemella</i>	<i>Prevotella melaninogenica</i>	<i>BVAB3</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.000	0.000	0.023	0.005	0.000	0.000
3	0.000	0.010	0.000	0.017	0.000	0.000	0.000
4	0.000	0.036	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.000	0.000	0.028	0.000	5.868	0.000	0.000
6	0.000	0.545	0.022	0.029	0.000	0.000	0.000
7	0.000	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	1.027	0.000	6.752	10.708	1.966	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.009	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.000	0.000	0.008	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.150	1.939	0.004	0.000	0.000	5.504
12	0.009	0.289	0.019	0.009	1.275	0.000	0.000
13	0.000	0.285	0.000	0.000	0.022	0.000	0.000
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.009	0.000	0.000
15	0.000	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.000	0.007	0.000	0.007	0.000	0.000	0.007
17	0.000	0.013	0.000	0.007	0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.016	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.057	0.000	0.049	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.301	0.499	0.220	0.027	0.134	0.000	0.011
27	0.000	0.672	0.007	0.004	0.122	0.000	0.000
28	0.393	0.110	0.462	0.041	0.324	0.000	0.654
29	0.048	2.356	0.144	0.288	0.240	0.000	0.000
30	0.000	0.450	3.178	0.334	1.366	0.000	0.000
31	0.004	0.203	0.598	0.004	0.413	0.000	0.406
32	0.130	0.427	0.958	0.583	0.260	0.000	0.468
33	0.000	1.309	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.004	0.009	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.129	0.000	0.120	0.026	0.009	0.000
36	0.000	0.062	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	8.468	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.006	0.000	0.000	0.000	0.006	0.000	0.006
40	0.000	0.020	0.000	0.005	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.000	0.287	2.169	0.019	0.000	1.395	0.599
43	0.000	0.007	0.000	0.000	0.007	0.000	0.000
44	0.000	0.675	0.000	0.000	0.028	0.000	0.000
45	0.004	0.000	0.000	0.013	0.000	0.000	0.000
46	0.000	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.008
47	0.000	0.343	1.142	0.006	0.118	0.000	0.000
48	0.350	1.068	0.291	0.000	0.039	0.000	0.039
49	0.000	0.012	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000
50	0.006	0.011	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	16.015	0.000	10.696	0.566	0.000	0.000
52	0.004	0.008	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Fusobacterium nucleatum</i>	<i>Prevotella buccalis</i>	<i>Candida</i>	<i>Division TM7 vaginal</i>	<i>Prevotella disiens</i>	<i>Streptococcus anginosus</i>
1	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
2	0.005	0.000		0.000	0.000	0.036
3	0.003	0.007		0.000	0.000	0.000
4	0.018	0.000		0.000	0.000	0.000
5	0.028	0.000		0.000	0.000	0.000
6	0.007	0.502		0.000	0.276	1.752
7	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
8	0.262	0.000		0.026	0.000	0.089
9	0.000	0.000		0.000	0.000	0.017
10	0.000	0.000		0.008	0.000	0.060
11	0.000	0.033		0.004	0.007	0.000
12	0.000	10.471		0.009	0.875	0.000
13	0.003	0.048		0.003	0.010	0.051
14	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000		0.000	0.000	0.009
16	0.003	0.000		0.003	0.000	0.013
17	0.007	0.000		0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000		0.000	0.000	0.011
20	0.104	0.000		0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
22	0.016	0.000		0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000		0.000	0.000	1.695
24	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.006		0.000	0.000	0.006
26	0.000	0.000		4.551	0.000	0.000
27	0.000	0.000		0.004	0.000	0.004
28	0.000	0.076		0.000	0.014	0.000
29	0.721	0.000		0.673	0.000	0.048
30	0.015	0.276		2.068	0.005	0.000
31	0.004	0.319		0.000	0.004	0.000
32	0.026	0.100		1.677	0.007	0.004
33	0.000	0.000		0.004	0.000	0.000
34	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.215		0.009	13.792	0.000
36	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
37	0.000	2.062		0.000	0.000	0.102
38	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.000		0.000	0.000	0.025
41	0.000	0.000		0.000	0.000	15.109
42	8.283	0.115		0.826	1.038	0.461
43	0.000	0.000		0.000	0.000	0.051
44	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
45	0.004	0.000		0.000	0.000	0.000
46	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
47	0.006	0.763		0.000	0.018	0.000
48	0.000	0.058		0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.000		0.000	0.000	0.000
50	0.006	0.000		0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000		0.000	0.000	0.050
52	0.011	0.000		0.000	0.000	0.000
53	NA	NA	NA		NA	NA
54	NA	NA	NA		NA	NA
55	NA	NA	NA		NA	NA
56	NA	NA	NA		NA	NA
57	NA	NA	NA		NA	NA
58	NA	NA	NA		NA	NA
59	NA	NA	NA		NA	NA
60	NA	NA	NA		NA	NA
61	NA	NA	NA		NA	NA
62	NA	NA	NA		NA	NA
63	NA	NA	NA		NA	NA
64	NA	NA	NA		NA	NA
65	NA	NA	NA		NA	NA

Table S1.

ID	<i>Dialister sp. type 1</i>	<i>Corynebacterium accolens</i>	<i>Peptoniphilus harei</i>	<i>Mobiluncus curtisii</i>	<i>Streptococcus agalactiae</i>	<i>Ureaplasma parvum</i>
1	0.000	0.089	0.000	0.000	0.000	0.035
2	0.005	0.182	0.005	0.000	0.014	0.023
3	0.000	0.180	0.003	0.000	0.038	0.069
4	0.000	0.181	0.000	0.000	0.290	0.109
5	1.196	0.028	1.696	0.000	0.000	0.028
6	0.254	0.356	1.817	0.022	0.000	0.073
7	0.396	0.052	0.009	0.000	0.017	0.017
8	1.347	0.096	0.019	0.000	0.000	0.243
9	0.000	0.070	0.000	0.000	0.000	0.052
10	0.000	0.453	0.015	0.000	1.780	0.279
11	0.308	0.000	0.755	0.139	0.000	0.044
12	0.447	0.009	0.019	0.009	0.009	0.298
13	0.134	0.003	0.102	0.000	0.000	0.042
14	0.000	0.026	0.009	0.000	0.000	0.044
15	0.000	0.009	0.000	0.000	0.009	0.117
16	0.000	0.044	0.003	0.000	0.010	0.054
17	0.000	0.113	0.000	0.000	0.000	0.107
18	0.000	0.026	0.005	0.000	0.000	0.214
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.023	0.476
20	0.000	0.067	0.007	0.000	0.007	0.045
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.022
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.016	0.000
23	0.000	0.000	3.390	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.742	0.000	0.007	0.000	0.099
25	0.000	0.128	0.006	0.000	0.000	0.105
26	0.048	0.000	0.021	0.000	0.011	0.118
27	0.030	0.033	0.011	0.000	0.000	0.111
28	0.158	0.041	0.014	0.034	0.007	0.338
29	0.000	35.048	0.337	0.000	0.048	0.625
30	0.475	0.000	1.230	0.000	0.005	0.325
31	0.221	0.018	0.076	0.014	0.004	0.036
32	0.312	0.111	0.067	0.007	0.000	0.256
33	0.014	0.000	0.000	0.000	0.004	0.229
34	0.000	0.073	0.004	0.000	0.000	0.056
35	0.318	0.009	0.000	0.052	0.000	0.499
36	0.000	0.000	0.005	0.000	0.000	0.110
37	1.388	0.033	0.176	0.000	0.000	0.033
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.046
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.013	0.088
40	0.005	0.025	0.000	0.000	0.015	0.159
41	0.071	0.000	0.000	0.000	0.000	0.081
42	0.491	0.629	0.554	0.134	0.004	0.115
43	0.000	0.015	0.000	0.000	0.007	0.065
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.124
45	0.000	0.077	0.004	0.000	0.034	0.069
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.090
47	0.308	0.000	0.000	6.111	0.000	0.012
48	0.078	0.000	0.000	0.019	0.000	0.194
49	0.063	0.006	0.086	0.000	4.435	0.046
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.073
51	0.115	0.186	0.036	0.000	0.000	0.236
52	0.000	0.129	0.000	0.000	0.050	0.046
53	NA	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Anaerococcus tetradius</i>	<i>Peptostreptococcus anaerobius</i>	<i>Finegoldia magna</i>	<i>Prevotella genogroup 4</i>	<i>Peptoniphilus lacrimalis</i>
1	0.000	0.000	0.035	0.000	0.000
2	0.009	0.000	0.059	0.000	0.000
3	0.007	0.000	0.079	0.000	0.000
4	0.000	0.000	0.018	0.000	0.000
5	5.979	0.000	1.363	0.000	0.389
6	1.446	0.000	1.228	0.000	0.102
7	0.017	0.009	0.043	0.000	0.000
8	0.000	3.976	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.017	0.000	0.000
10	0.015	0.068	0.075	0.000	0.000
11	0.165	0.018	0.004	0.004	0.007
12	0.000	0.000	0.037	0.000	0.828
13	0.697	0.090	0.640	0.000	0.022
14	0.000	0.000	0.018	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.009	0.000	0.000
16	0.010	0.000	0.044	0.000	0.000
17	0.020	0.000	0.007	0.000	0.000
18	0.005	0.000	0.005	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.011	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.030	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.017	0.000	0.022	0.000	0.000
26	0.011	0.000	0.000	0.027	0.016
27	0.007	0.000	0.066	0.000	0.007
28	0.021	0.000	0.000	0.455	0.069
29	2.163	0.000	1.106	0.000	0.048
30	0.048	0.000	0.000	0.000	0.097
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.536
32	0.019	0.000	0.007	0.880	1.050
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.021	0.000	0.068	0.000	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.723	0.379
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.086	0.016	0.008
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.919	0.811	1.016	1.317	0.190
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.004	0.000	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.024	0.000	0.000	0.000	0.130
48	0.000	0.000	0.000	0.039	0.058
49	0.000	0.000	0.006	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.014	0.000	0.000
52	0.004	0.000	0.027	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Bacteroides uniformis</i>	<i>Serratia marcescens</i>	<i>Porphyromonas uenonis</i>	<i>Lactobacillus vaginalis</i>	<i>Peptoniphilus asaccharolyticus</i>
1	0.000	0.089	0.000	0.372	0.000
2	0.000	0.064	0.000	0.000	0.000
3	0.017	0.083	0.000	0.000	0.003
4	0.000	0.054	0.000	1.431	0.000
5	0.000	0.028	0.000	0.083	0.000
6	0.000	0.109	0.131	0.051	1.679
7	0.000	0.103	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.083	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.087	0.000	1.199	0.000
10	0.000	0.098	0.000	0.332	0.000
11	0.000	0.059	0.355	0.000	0.007
12	0.009	0.009	0.019	0.000	0.019
13	0.000	0.032	0.026	0.000	0.003
14	0.000	0.105	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.036	0.000	0.009	0.000
16	0.020	0.138	0.000	0.000	0.000
17	0.000	0.073	0.000	0.546	0.000
18	0.000	0.026	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.091	0.000	0.997	0.000
20	0.000	0.127	0.000	0.246	0.000
21	0.000	0.022	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.115	0.000	0.000	0.000
23	0.000	3.390	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.085	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.133	0.000	0.000	0.000
26	0.145	0.005	0.000	0.000	0.000
27	0.000	0.114	0.000	0.000	0.000
28	0.406	0.028	0.007	0.000	0.000
29	0.240	0.577	0.000	0.000	0.385
30	0.000	0.005	0.010	0.000	0.000
31	1.439	0.011	0.004	0.000	0.000
32	0.813	0.007	0.052	0.000	0.108
33	0.000	0.285	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.124	0.000	0.004	0.000
35	0.000	0.000	0.095	0.000	0.000
36	0.000	0.091	0.000	0.005	0.000
37	0.000	0.029	0.000	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.019	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.094	0.000	0.338	0.000
41	0.000	0.040	0.000	0.000	0.000
42	0.015	0.026	1.515	0.000	0.856
43	0.007	0.218	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.064	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.013	0.000	0.000	0.000
46	0.008	0.107	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.012	0.290	0.000	0.000
48	0.000	0.019	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.213	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.050	0.000	0.062	0.000
51	0.000	0.415	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.034	0.000	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Arcanobacterium hippocoleae</i>	<i>Actinomyces neuii</i>	<i>Veillonella parvula</i>	<i>Lactobacillus coleohominis</i>	<i>Howardella ureilytica</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.071	0.000
2	0.000	0.009	0.009	0.136	0.000
3	0.000	0.000	0.003	0.000	0.003
4	0.000	0.000	0.054	0.000	0.000
5	0.028	0.139	0.000	0.000	0.111
6	0.821	0.000	0.007	0.000	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.530
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.000	0.029
12	0.000	0.028	0.000	0.000	0.028
13	0.000	0.000	0.000	0.000	0.003
14	0.000	0.009	0.000	1.902	0.000
15	0.000	0.000	0.000	1.427	0.000
16	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000
17	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.005	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.113	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.017	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.011	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.004	0.044	0.000	0.000	0.004
28	0.028	0.000	0.000	0.000	0.007
29	0.817	0.192	0.096	0.000	0.000
30	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
31	0.083	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.019	0.000	0.000	0.000	0.011
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.000	0.026
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.261	1.813	1.666	0.000	0.457
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.010	0.000	0.005	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.726
42	0.264	0.000	0.004	0.000	0.186
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.414	0.000	0.000	0.000	0.024
48	0.039	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.046	0.098	0.000	0.161
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.000	0.004	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Varibaculum cambriense</i>	<i>Actinomyces urogenitalis</i>	<i>Streptococcus oralis</i>	<i>Atopobium minutum</i>	<i>Campylobacter ureolyticus</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.005	0.005	0.009	0.000	0.000
3	0.003	0.000	0.017	0.000	0.000
4	0.000	0.000	0.181	0.000	0.000
5	0.000	0.000	0.000	1.808	0.000
6	2.166	0.247	0.000	0.073	1.199
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.008	0.000	0.008	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.059	0.011
12	0.009	0.000	0.000	0.009	0.000
13	0.000	0.010	0.006	0.000	0.003
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.018	0.000	0.000
16	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
17	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.023	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.022	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.007	0.014	0.000	0.000	0.000
25	0.006	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.043	0.000	0.016	0.000
27	0.000	0.000	0.000	0.033	0.000
28	0.000	0.138	0.000	0.062	0.007
29	0.096	0.288	1.731	0.000	0.337
30	0.010	0.131	0.005	0.097	0.000
31	0.000	0.094	0.000	0.011	0.000
32	0.004	0.108	0.000	0.100	0.004
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.043	0.009
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.005	0.889	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.086	0.007	0.004	0.138	0.182
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.009	0.000	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.024	0.000
48	0.000	0.039	0.000	0.097	0.000
49	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.007	0.000	0.014	0.000
52	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Prevotella</i> genogroup 7	<i>Anaerococcus vaginalis</i>	<i>Megasphaera</i> sp. type 2	<i>Prevotella</i> genogroup 5	<i>Alloscardovia omnicolens</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.005	0.000	0.000	0.000
3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.003
4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.018
5	1.196	0.000	0.028	0.000	0.000
6	0.029	1.047	0.000	0.022	1.236
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.006	0.000	0.026	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.008	0.000	0.000	0.000
11	0.004	0.000	0.000	0.026	0.007
12	0.670	0.000	0.009	0.019	0.000
13	0.010	0.010	0.000	0.006	0.000
14	0.000	0.009	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
17	0.000	0.000	0.000	0.020	0.007
18	0.000	0.010	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.113	0.011
27	0.000	0.055	0.000	0.000	0.000
28	0.000	0.000	0.269	0.014	0.000
29	0.048	0.144	0.000	0.000	0.000
30	0.005	0.000	0.000	0.010	0.019
31	0.014	0.000	0.188	0.069	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.033	0.007
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.004	0.000	0.000	0.000
35	0.482	0.000	0.637	0.077	0.000
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.004	0.008	0.000	0.392	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.093	0.108	0.011	0.030	0.015
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.000	0.000	0.004
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.213	0.012	0.006
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.035	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Pediococcus acidilactici</i>	<i>Peptoniphilus indolicus</i>	<i>Dialister sp. type 3</i>	<i>Staphylococcus haemolyticus</i>	<i>Clostridium colicanis</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.009	0.000	0.000	0.005	0.000
3	0.003	0.003	0.003	0.000	0.017
4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.000	0.250	0.000	0.000	0.000
6	0.015	0.145	0.000	0.000	0.022
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.191	0.000
9	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.015	0.000	0.000	0.008	0.000
11	0.000	0.051	0.000	0.000	0.000
12	0.000	0.000	0.019	0.000	0.009
13	0.003	0.042	0.000	0.000	0.000
14	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.003	0.003	0.000	0.003	0.003
17	0.007	0.000	0.000	0.000	0.786
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.034	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.015	0.000	0.000	0.022	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.016	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.021	0.007	0.000	0.007	0.000
25	0.011	0.006	0.000	0.000	0.000
26	0.005	0.000	0.000	0.005	0.000
27	0.007	0.011	0.000	0.011	0.000
28	0.000	0.007	0.000	0.000	0.007
29	0.048	0.144	0.000	4.231	0.000
30	0.005	0.000	0.000	0.005	0.019
31	0.000	0.014	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.015	0.000	0.000	0.007
33	0.011	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.021	0.000	0.000	0.004	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
36	0.038	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.621	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.025	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.030	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.000	0.313	0.026	0.045	0.000
43	0.036	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.030	0.004	0.000	0.000	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.633	0.000	0.000	0.000	0.000
50	0.017	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.007	0.000	0.000	0.000
52	0.023	0.004	0.000	0.011	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Peptostreptococcus stomatis</i>	<i>Veillonella montpellierensis</i>	<i>Dialister propionicifaciens</i>	<i>Aerococcus viridans</i>	<i>Porphyromonas endodontalis</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.000	0.000	0.009	0.000
3	0.003	0.000	0.000	0.010	0.000
4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.000	0.000	0.028	0.000	0.000
6	0.000	0.000	0.058	0.022	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.004	0.022
12	0.242	0.009	0.000	0.000	0.056
13	0.000	0.240	0.029	0.000	0.000
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.000	0.003	0.000	0.003	0.000
17	0.007	0.000	0.000	0.007	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.000	0.000	0.006	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.016	0.000
27	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
28	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007
29	0.000	0.000	0.000	1.683	0.000
30	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.000	0.234
33	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.533	0.000	0.000	0.009	0.000
36	0.000	0.005	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.176	0.000	0.004
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.050	0.000	0.005	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.071	0.000	0.138	0.060	0.011
43	0.000	0.015	0.000	0.007	0.000
44	0.000	0.032	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.024	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Bifidobacterium longum</i>	<i>Roseburia faecis</i>	<i>Arcanobacterium phocae</i>	<i>Streptococcus parasanguinis</i>	<i>Staphylococcus epidermidis</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.000	0.005	0.000	0.000
3	0.003	0.076	0.000	0.010	0.000
4	0.000	0.000	0.000	0.036	0.036
5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
6	0.458	0.000	0.116	0.000	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.045
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.017
10	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
12	0.000	0.000	0.000	0.000	0.019
13	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.009	0.009	0.045
16	0.017	0.037	0.000	0.000	0.000
17	0.000	0.027	0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.011
20	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.042	0.000	0.000
25	0.000	0.000	0.000	0.000	0.006
26	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
28	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
29	0.000	0.481	0.721	2.548	0.337
30	0.000	0.000	0.000	0.000	0.005
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.000	0.004
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.060
35	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.005
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.000	0.005	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.004	0.071	0.052	0.000	0.037
43	0.000	0.007	0.000	0.000	0.007
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.000	0.000	0.004
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.012	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.008	0.004	0.004	0.004
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Enterococcus faecalis</i>	<i>Atopobium rimae</i>	<i>Staphylococcus hominis</i>	<i>Raoultella planticola</i>	<i>Bifidobacterium bifidum</i>	<i>Veillonella atypica</i>
1	0.018	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.005	0.000	0.000	0.005	0.000	0.000
3	0.003	0.003	0.007	0.007	0.000	0.003
4	0.018	0.000	0.000	0.018	0.000	0.000
5	0.000	1.251	0.000	0.000	0.000	0.000
6	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.145
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.009	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
12	0.000	0.000	0.000	0.000	0.382	0.000
13	0.000	0.000	0.000	0.042	0.000	0.000
14	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.009	0.000	0.000
16	0.000	0.000	0.000	0.010	0.000	0.000
17	0.000	0.000	0.000	0.007	0.000	0.007
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.023	0.000	0.011	0.000	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.000	0.037	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.007	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.000	0.000	0.000	0.011	0.000	0.000
28	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
29	0.048	0.000	2.115	0.433	0.000	0.000
30	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.004	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000
33	0.004	0.000	0.000	0.004	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.000	0.060	0.000
36	0.005	0.000	0.000	0.005	0.000	0.000
37	0.000	0.024	0.000	0.000	0.000	0.073
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.015	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.123	0.004	0.004	0.000	0.000	0.011
43	0.000	0.000	0.007	0.007	0.000	0.007
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.000	0.026	0.000	0.000
46	0.016	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.006	0.000	0.000	0.006	0.000	0.006
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.008	0.000	0.000	0.004	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Sutterella stercoricanis</i>	<i>Eubacterium eligens</i>	<i>Actinomyces meyeri</i>	<i>Porphyromonas bennonis</i>	<i>Eubacterium rectale</i>	<i>Streptococcus salivarius</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
3	0.003	0.055	0.000	0.000	0.010	0.003
4	0.000	0.000	0.018	0.000	0.000	0.109
5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
6	0.000	0.000	0.029	0.153	0.007	0.000
7	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
12	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
13	0.006	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
14	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.003	0.037	0.000	0.000	0.017	0.013
17	0.000	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.057
20	0.015	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.016	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
28	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
29	0.625	0.000	0.048	0.000	0.337	0.385
30	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
31	0.000	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.026	0.019	0.078	0.015	0.022	0.000
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007	0.000
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.017	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.006	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.014	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.015	0.004	0.004	0.008	0.004
53	NA	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Porphyromonas sp. type 1</i>	<i>Prevotella genogroup 6</i>	<i>Sutterella morbirenis</i>	<i>Lactobacillus mucosae</i>	<i>Lactobacillus rhamnosus</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
3	0.000	0.000	0.003	0.000	0.000
4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
6	0.000	0.000	0.007	0.000	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.007	0.000	0.000	0.000	0.000
12	0.028	0.000	0.000	0.000	0.000
13	0.010	0.000	0.003	0.000	0.000
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
17	0.000	0.087	0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.011
20	0.000	0.000	0.007	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.007	0.000	0.000
25	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.000	0.000	0.000	0.063	0.000
28	0.014	0.000	0.000	0.000	0.000
29	0.048	0.048	0.288	0.000	0.000
30	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
33	0.000	0.000	0.004	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.060	0.009	0.000	0.000	0.000
36	0.000	0.000	0.005	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.007	0.007	0.004	0.000	0.000
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.009	0.000	0.069
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.000	0.006	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.006	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Staphylococcus warneri</i>	<i>Staphylococcus lugdunensis</i>	<i>Sutterella wadsworthensis</i>	<i>Escherichia coli</i>	<i>Mycoplasma genitalium</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
3	0.000	0.000	0.000	0.007	0.000
4	0.000	0.036	0.000	0.000	0.000
5	0.000	0.028	0.000	0.056	0.000
6	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
12	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
13	0.000	0.000	0.010	0.000	0.000
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
17	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
18	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.011	0.000
20	0.000	0.007	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.000	0.018	0.000	0.000	0.000
28	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
29	0.625	0.096	0.000	0.000	0.000
30	0.000	0.010	0.000	0.000	0.005
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.000	0.043	0.000	0.000
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.000	0.000	0.004	0.000	0.022
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.007
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.004	0.000	0.009	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.000	0.000	0.012	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.006
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.004	0.000	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Streptococcus sanguinis</i>	<i>Streptococcus intermedius</i>	<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	<i>Staphylococcus aureus</i>	<i>Eubacterium sapenum</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
4	0.000	0.018	0.000	0.000	0.000
5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
6	0.000	0.015	0.000	0.000	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.006
9	0.000	0.000	0.000	0.017	0.000
10	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
12	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
13	0.000	0.003	0.000	0.000	0.000
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
17	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.037	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
28	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
29	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
30	0.000	0.000	0.000	0.005	0.005
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.000	0.000	0.005	0.000
41	0.000	0.030	0.000	0.000	0.000
42	0.030	0.000	0.000	0.000	0.007
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Arcanobacterium haemolyticum</i>	<i>Weissella paramesenteroides</i>	<i>Pseudomonas fluorescens</i>	<i>Shuttleworthia satellites</i>	<i>Catonella morbi</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000
3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
6	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
12	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
13	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.000	0.000	0.000	0.000	0.003
17	0.000	0.007	0.000	0.000	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.015	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.014	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
28	0.000	0.000	0.000	0.007	0.000
29	0.000	0.096	0.048	0.000	0.000
30	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
45	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.006	0.000	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.000	0.000	0.000	0.004
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S1.

ID	<i>Streptococcus equinus</i>	<i>Pseudomonas stutzeri</i>	<i>Acinetobacter baumannii</i>	<i>Eubacterium siraeum</i>	<i>Agrobacterium tumefaciens</i>
1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
3	0.003	0.000	0.000	0.000	0.000
4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
5	0.028	0.000	0.000	0.000	0.000
6	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
7	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
8	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
9	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
10	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
11	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
12	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
13	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
14	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
15	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
16	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
17	0.000	0.000	0.000	0.007	0.000
18	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
19	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
20	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
21	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
22	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
23	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
24	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
25	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
26	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
27	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
28	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
29	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
30	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
31	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
32	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
33	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
34	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
35	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
36	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
37	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
38	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
39	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
40	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
41	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
42	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000
43	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
44	0.000	0.000	0.005	0.000	0.000
45	0.000	0.009	0.004	0.000	0.004
46	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
47	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
48	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
49	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
51	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
52	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
53	NA	NA	NA	NA	NA
54	NA	NA	NA	NA	NA
55	NA	NA	NA	NA	NA
56	NA	NA	NA	NA	NA
57	NA	NA	NA	NA	NA
58	NA	NA	NA	NA	NA
59	NA	NA	NA	NA	NA
60	NA	NA	NA	NA	NA
61	NA	NA	NA	NA	NA
62	NA	NA	NA	NA	NA
63	NA	NA	NA	NA	NA
64	NA	NA	NA	NA	NA
65	NA	NA	NA	NA	NA

Table S2. Metadata and immunological data

ID	Clinical Characteristics									
	HIV	Chlamydia	Gonorrhea	Nugent BV	Nugent Intermediate	Microbiota	HPV	HR-HPV	Clear HPV	Persist HPV
1	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
2	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1
3	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
4	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0
5	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
6	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
7	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0
8	0	0	0	0	0	1	1	0	NA	NA
9	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
10	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
11	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
12	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1
13	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
14	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
15	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
16	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
17	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
18	0	0	0	0	0	1	1	1	NA	NA
19	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0
20	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
21	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
22	0	0	0	0	0	0	1	1	0	1
23	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
24	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
25	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
26	0	0	0	0	0	1	1	0	NA	NA
27	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
28	0	0	0	1	0	0	0	0	NA	NA
29	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
30	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
31	0	0	0	1	0	0	1	1	1	0
32	0	0	0	1	0	0	1	1	NA	NA
33	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
34	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
35	0	0	0	1	0	0	1	0	1	0
36	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0
37	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
38	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
39	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
40	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
41	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0
42	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
43	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
44	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
45	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
46	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
47	0	0	0	1	0	0	0	0	NA	NA
48	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1
49	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
50	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1
51	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
52	0	0	0	1	0	0	1	0	0	1
53	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
54	0	0	0	0	0	0	1	1	1	0
55	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0
56	0	0	0	0	0	0	0	0	NA	NA
57	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1
58	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1
59	0	0	0	0	0	1	1	0	0	1
60	0	0	0	0	0	1	1	1	1	0
61	0	0	0	0	0	1	1	1	0	1
62	0	0	0	1	0	0	1	1	1	0
63	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
64	0	0	0	0	0	1	0	0	NA	NA
65	0	0	0	0	0	1	1	0	1	0

Table S2.

ID	Cervical T Cell Subsets									
	#CD4 T		%CCR5+	#CD4+	%CD69	#CD4+	%CD38+	#CD4+	%α4β7+	#CD4+
	Cells	#CD4+	CCR5+ of CD4+	CD69+	+ of CD4+	HLADR+ of CD4+	HLADR+ of CD4+	α4β7+ of CD4+	of CD4+	of CD4+
1	40		21	52.5	19	47.5	6	15	1	2.5
2	146		43	29.5	58	39.7	13	8.22	10	6.85
3	1369		551	40.2	990	72.3	50	3.65	75	5.48
4	537		228	42.5	297	55.3	14	2.23	67	12.5
5	123		39	31.7	35	28.5	64	52	7	5.69
6	253		48	19	81	32	5	1.98	15	5.93
7	353		50	14.2	47	13.3	8	2.27	75	21.2
8	912		318	34.9	712	78.1	117	12.8	265	29.1
9	2285		1381	60.4	1429	62.5	111	4.86	265	11.6
10	641		148	23.1	187	29.2	28	4.37	55	8.58
11	1749		616	35.2	684	39.1	50	2.86	154	8.81
12	3016		992	32.9	942	31.2	202	6.7	308	10.2
13	1672		312	18.7	465	27.8	5	0.299	139	8.31
14	2100		196	9.33	464	22.1	53	2.52	54	2.57
15	392		105	26.8	136	34.7	4	1.02	43	11
16	2052		1254	61.1	1339	65.3	212	10.3	241	11.7
17	857		347	40.5	501	58.5	45	5.25	132	15.4
18	375		258	68.8	218	58.1	47	12.5	49	13.1
19	1347		978	72.6	674	50	179	13.3	88	6.53
20	227		135	59.5	5	2.2	93	41	40	17.6
21	10475		5034	48.1	8370	79.9	473	4.52	637	6.08
22	3842		1282	33.4	1715	44.6	344	8.95	319	8.3
23	1458		730	50.1	647	44.4	277	19	160	11
24	1063		541	50.9	796	74.9	106	9.97	105	9.88
25	3566		2059	57.7	2708	75.9	124	3.48	275	7.71
26	196		80	40.8	113	57.7	10	5.1	19	9.69
27	215		127	59.1	106	49.3	26	12.1	22	10.2
28	1371		611	44.6	418	30.5	189	13.8	195	14.2
29	504		325	64.5	351	69.6	79	15.7	119	23.6
30	143		107	74.8	85	59.4	19	13.3	33	23.1
31	564		243	43.1	197	34.9	100	17.7	80	14.2
32	374		261	69.8	127	34	62	16.6	62	16.6
33	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
34	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
35	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
36	2216		859	38.8	682	30.8	186	8.39	117	5.28
37	3608		2230	61.8	2930	81.2	269	7.46	650	18
38	223		117	52.5	9	4.04	9	4.04	13	5.83
39	470		159	33.8	228	48.5	39	8.3	94	20
40	852		712	83.6	660	77.5	241	28.3	234	27.5
41	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
42	371		70	18.9	42	11.3	37	9.97	48	12.9
43	308		105	34.1	105	34.1	2	0.649	66	21.4
44	391		277	70.8	280	71.6	78	19.9	42	10.7
45	139		47	33.8	46	33.1	11	8.63	53	38.1
46	1243		347	27.9	698	56.2	65	5.23	193	15.5
47	222		79	35.6	84	37.8	11	5.41	54	24.3
48	39		22	56.4	14	35.9	1	2.56	1	2.56
49	176		85	48.3	66	37.5	12	6.82	21	11.9
50	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
51	229		135	59	128	55.9	26	11.4	52	22.7
52	55		9	16.4	6	10.9	2	3.64	22	40
53	115		12	10	30	26.0	1	1	11	10
54	303		24	8	8	3.0	4	1	57	19
55	262		131	50	120	46.0	6	2	33	13
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
57	149		136	91	114	76.0	42	28	63	42
58	2284		1171	51	1036	45.0	466	20	372	16
59	83		34	41	20	24.0	34	41	8	10
60	2204		1125	51	172	8.0	494	22	172	8
61	577		423	73	411	71.0	56	10	51	9
62	454		125	28	30	7.0	17	4	116	26
63	341		199	58	52	15.0	136	40	23	7
64	247		157	64	45	18.0	99	40	33	13
65	149		38	26	29	19.5	0	0	14	9

Table S2.

ID	Cervical Dendritic Cell Subsets												CD4+ T cell Subsets in Blood (Proportion exp by CD4+ T cells)			
	#Langerhans	#mDC	#mDC	%MR+	#mDC	%DCSIGN+	#Monocytes	%MR+	#Monocytes	%DCSIGN+	#Monocytes	%CCR5+	%CD69+	HLADR+	%α4β7	
			exp.	of	exp.	of mDC		of	of	of						
1	791	266000	1786	0.671	16150	6.07	26654	219	0.822	11790	44.2	0.509	0.45	0.126	4.82	
2	207	3645	41	1.12	1900	52.1	3086	35	1.13	2438	79	2.54	0.345	0.201	8.76	
3	125	10349	4820	46.6	2273	22	3666	3213	87.6	633	17.3	0.935	0.103	0.246	3.8	
4	322	5333	562	10.5	2197	41.2	2241	408	18.2	1218	54.4	2.52	0.249	0.391	5.76	
5	818	3281	24	0.731	1335	40.7	4760	70	1.47	1681	35.3	0.405	0.22	0.21	3.34	
6	859	700	36	5.14	287	41	1041	98	9.41	597	57.3	1.11	0.109	0.161	9.14	
7	193	11374	7619	67	9478	83.3	12375	9119	73.7	11069	89.4	2.53	1.2	0.399	15.5	
8	19	2656	43	1.62	127	4.78	15328	3812	24.9	231	1.51	1	1.76	0.248	20.1	
9	389	1923	701	36.5	482	25.1	5807	1097	18.9	4579	78.9	2.34	1.14	0.0939	4.92	
10	369	22344	680	3.04	13516	60.5	24426	428	1.75	20670	84.6	1.56	0.31	0.497	2.27	
11	146	17396	1969	11.3	8784	50.5	15774	1824	11.6	12268	77.8	4.8	0.262	0.516	16.8	
12	361	8138	262	3.22	207	2.54	14935	5740	38.4	1522	10.2	5.73	1.36	0.136	8.27	
13	765	4506	1465	32.5	390	8.66	14979	3233	21.6	551	3.68	0.926	0.413	0.00454	9.36	
14	68	11940	706	5.91	6649	55.7	27110	2431	8.97	12585	46.4	0.242	0.14	0.397	3.01	
15	48	4778	1176	24.6	416	8.71	2705	2032	75.1	449	16.6	0.862	0.173	0.2	10.4	
16	717	33632	2394	7.12	837	2.49	36477	3053	8.37	854	2.34	6.65	0.595	1.29	5.22	
17	98	5810	299	5.15	847	14.6	4444	263	5.92	747	16.8	5.14	0.191	1.04	9.73	
18	84	1608	444	27.6	154	9.58	1766	299	16.9	248	14	10.5	0.687	1.26	19	
19	2778	56032	2423	4.32	7234	12.9	87905	4229	4.81	8963	10.2	10.8	1.27	2.51	27.8	
20	73	25484	575	2.26	729	2.86	24799	238	0.96	347	1.4	26.9	1.79	1.45	16.8	
21	25	1293	222	17.2	459	35.5	1150	77	6.7	438	38.1	22	0.251	1.02	21.8	
22	140	108000	92807	85.9	9816	9.12	105000	91708	87.3	9464	9.01	5.26	0.206	1.07	26.5	
23	42	8416	1344	16	1612	19.2	16707	729	4.36	4170	25	4.71	0.0654	0.22	26.3	
24	481	137000	126000	92	12232	8.95	128000	121000	94.5	11861	9.3	7.67	10.4	0.39	16.3	
25	4836	66821	23835	35.7	9945	14.9	43950	21304	48.5	9105	20.7	3.12	3.12	0.711	23	
26	133	3060	112	3.66	1803	58.9	3382	36	1.06	2410	71.3	2.95	2.38	0.634	16.5	
27	24	5896	1029	17.5	936	15.9	4107	879	21.4	878	21.4	1.8	0.504	0.32	9.62	
28	867	7341	619	8.43	1118	15.2	7618	840	11	1728	22.7	2.37	0.192	0.372	30.1	
29	192	2386	340	14.2	428	17.9	1302	202	15.5	434	33.3	0.453	0.191	0.175	5.57	
30	109	439	53	12.1	59	13.4	259	31	12	51	19.7	0	0	0	100	
31	15818	66747	22953	34.4	18334	27.5	41918	19919	47.5	16408	39.1	2.01	0.0806	0.661	37	
32	357	2896	1295	44.7	875	30.2	1291	810	62.7	658	51	3.18	0.32	0.168	21.2	
33	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	
34	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	
35	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	
36	6551	73797	55663	75.4	4119	5.58	11571	10667	92.2	2394	20.7	2.09	2.85	0.245	13.8	
37	1504	55685	23536	42.3	9929	17.8	30575	17367	56.8	11056	36.2	1.17	7.57	0.146	7.48	
38	403	584	4	0.685	460	78.8	7989	91	1.14	1849	23.1	5.98	1.09	0.533	13	
39	1329	2284	215	9.41	1720	75.3	6107	2019	33.1	4451	72.9	0.306	1.25	0.981	6.01	
40	155	10886	1460	13.4	4845	44.5	8111	1251	15.4	4201	51.8	4.67	0.823	3.77	19.7	
41	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	16.5	18.3	36.7	4.59	
42	4936	2323	1409	60.7	148	6.37	2249	2018	89.7	208	9.25	8.65	1.22	2.13	23.5	
43	78	15274	202	1.32	309	2.02	18483	131	0.709	157	0.849	3.9	0.766	0.0734	6.22	
44	99	2801	1275	45.5	353	12.6	5198	1731	33.3	880	16.9	16.7	0.571	1.2	10.1	
45	302	590	229	38.8	183	31	540	124	23	164	30.4	4.8	0.252	0.14	4.99	
46	141	29664	9693	32.7	13220	44.6	26167	10641	40.7	13745	52.5	0.612	0.394	0.432	8.86	
47	146	2347	89	3.79	1530	65.2	10347	99	0.957	6050	58.5	2.94	0.271	0.0881	10.9	
48	73	214	17	7.94	90	42.1	393	19	4.83	183	46.6	0.18	0.126	0.162	10.9	
49	68	1943	130	6.69	1085	55.8	15539	242	1.56	8760	56.4	6.32	0.204	0.269	9.34	
50	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	9.33	0.19	1.52	18.7	
51	196	2214	299	13.5	326	14.7	813	272	33.5	226	27.8	2.2	2.18	0.277	35.2	
52	81	1446	8	0.553	1400	96.8	1591	20	1.26	660	41.5	6.26	0.148	0.167	7.97	
53	40	1155	47	4	264	23	2111	56	3	960	46	1	1	0	16	
54	172	275	10	4	73	26	395	17	4	203	51	0	0	0	8	
55	567	1346	241	18	304	23	2178	755	35	1115	51	4	0	1	6	
56	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	
57	458	519	28	5	139	27	1152	21	2	267	23	6	0	2	30	
58	27270	62411	32986	53	1870	3	15780	13200	84	1250	8	2	0	0	35	
59	102	723	369	51	3	0	4541	973	21	18	0	5	0	2	4	
60	1401	11831	464	4	1251	11	5863	1820	31	4119	70	1	0	0	2	
61	17	1442	537	37	382	26	647	399	62	422	65	7	0	0	10	
62	18	260	242	93	222	85	611	309	51	340	56	6	3	0	20	
63	1465	153	124	81	39	26	559	431	77	246	44	5	4	10	28	
64	169	821	614	75	202	25	1448	1084	75	271	19	15	1	2	11	
65	104	1453	326	22	100	7	4922	1119	23	1887	38	7	0	0	11	

Table S2.

ID	Cervico-vaginal Cytokines (pg/mL)													
	GM-CSF	IL-1 α	IL-8	MCP-1	MIG	MIP-3 α	RANTES	IL-10	IL-17	IL-1 β	IL-6	IP-10	MIP-1 β	TNF- α
1	5.7	239.86	301.84	176.95	1952.04	5.84	3.2	3.4	3.7	7.4	6.4	314.131	18.2	3.4
2	5.7	579.17	7932.2	266.55	2347.4	376.94	13.06	3.4	11.903	217.528	127.99	309.631	18.2	3.4
3	5.7	2328.66	34182.04	476.59	3943.62	15.86	12.78	3.4	10.689	557.352	187.746	902.156	119.894	3.4
4	6.29	6404.48	102978.36	71.81	8617.27	34.04	11.86	4.512	25.526	1633.048	35.005	1173.591	23.525	3.4
5	51.41	35650.95	810625.97	941.17	10995.31	15.94	87.11	43.438	168.679	34970.643	89.832	347.224	181.25	16.071
6	5.7	1286.87	9230.48	29.85	424.25	8.95	7.38	3.4	4.081	542.142	19.079	42	18.2	3.4
7	5.7	606.28	2452	521.37	4284.13	4.17	7.8	3.4	3.7	19.477	9.074	973.863	18.2	3.4
8	54.27	12434.18	763303.41	828.8	112551.8	35.32	743.71	41.993	321.874	30941.668	254.863	6719.587	1330.603	82.848
9	5.7	1724.74	94650.71	187.99	5426.73	257.81	23.57	3.4	19.579	1193.69	465.002	660.739	40.24	3.4
10	5.7	1191.03	11041.18	49.91	2769.94	36.37	369.28	3.4	3.7	167.003	19.442	553.847	115.56	3.4
11	5.7	1977.25	40361.9	292.19	890.15	41.71	51.81	21.074	67.025	12185.581	297.869	51.839	116.709	12.323
12	8.83	2709.09	111443.11	635.51	2585.9	138.08	10.24	13.119	31.21	8997.121	608.783	214.807	180.213	6.796
13	5.7	5829.58	182581.8	104.47	1210.45	236.58	20.17	6.055	24.468	2799.609	488.586	143.708	735.674	3.4
14	16.16	2194.55	132693.35	1791.9	3033.82	626.48	42.08	3.4	12.315	1016.418	799.02	756.675	281.281	3.4
15	5.7	775.18	3410.38	91.6	973.68	96.86	3.2	3.4	3.7	55.2	91.176	204.084	18.2	3.4
16	5.7	521.64	10958.01	21.63	601.26	3.1	3.81	3.4	3.7	28.663	6.4	42	24.608	3.4
17	13.49	1334.07	30105.51	3219.58	3678.86	683.66	57.02	3.4	16.088	64.266	223.868	2539.938	147.855	3.4
18	22.64	1078.24	15889.75	4093.33	2569.24	14.27	19.1	3.4	3.7	206.964	30.785	829.572	99.64	3.4
19	5.92	1549.99	29084.75	175.09	13739.99	26.88	28.01	3.4	11.282	373.685	33.535	1475.38	184.583	3.4
20	5.7	639.37	60744.87	95.27	1975.97	7.02	55.85	3.4	3.7	170.467	6.4	998.389	111.262	3.4
21	5.7	2353.24	8571.28	58.72	4076.41	384.32	18.23	3.4	11.386	62.363	24.745	495.959	18.2	3.4
22	9.23	4515.69	111486.92	284.2	2520.66	23.7	18.77	3.4	15.064	797.333	37.029	518.601	18.2	3.4
23	12.81	2269.62	61254.93	75.22	6426.05	2231.99	117.31	108.568	537.944	1937.457	616.553	945.245	2216.514	19.21
24	5.7	2059.77	20307.72	29.76	862.42	3.1	3.2	3.4	3.7	76.322	6.4	43.536	18.2	3.4
25	5.7	1307.09	12291.31	389.24	4771.45	11.84	11.09	3.4	11.317	340.479	44.474	1605.544	18.2	3.4
26	5.7	1204.98	9091.06	71.03	387.46	25.72	3.37	3.4	3.7	116.822	36.004	78.207	18.2	3.4
27	5.7	663.77	18830.05	27.81	1793.85	3.1	5.22	3.4	3.7	245.896	6.4	584.074	18.2	3.4
28	5.7	4509.78	13590.52	13.61	584.52	3.1	3.71	3.4	3.7	366.625	14.876	42	18.2	3.4
29	5.7	1142.95	12671.65	50.25	149.98	39.19	20.31	3.4	5.473	341.073	39.216	42	369.494	5.547
30	5.7	3248.07	6180.36	18.2	52.3	3.1	7.55	3.4	3.837	79.364	61.214	42	18.2	3.4
31	26.27	16179	41399.37	15.22	221.71	3.1	3.2	3.4	4.08	1004.163	10.909	42	18.2	3.4
32	21.86	19484.95	19043.89	36	314.68	4.85	3.96	3.4	3.7	100.768	46.16	105.993	18.2	3.4
33	11.21	4707.08	237538.86	78.03	23168.52	6.7	61.95	3.4	237.61	1115.675	22.544	2059.297	77.032	3.4
34	5.7	756.31	39425.63	186.18	1338.47	180.3	7.15	3.4	13.174	319.144	173.812	799.399	18.2	3.4
35	21.49	32566.05	250311.48	55.96	799.52	10.52	7.53	5.772	24.775	2471.749	45.549	42	18.2	3.4
36	35.86	1618.88	267270.66	495.25	50402.29	46.1	94.91	6.729	631.398	1622.757	367.227	6135.205	1536.202	14.954
37	35.83	21135.2	848140.33	305.92	11373.15	16.03	124.42	16.798	858.702	9006.378	89.123	545.951	139.44	17.868
38	5.7	662.39	399.43	376.72	410.73	25.59	3.2	3.4	3.7	7.4	6.4	77.98	18.2	3.4
39	6.94	874.07	13922.03	150.78	11379.17	46.86	18.25	3.4	20.507	108.859	130.893	1396.778	18.2	3.4
40	6.17	797.93	5934.51	853.13	1631.12	106.07	81.84	3.4	12.551	50.433	90.711	1469.665	140.564	3.4
41	5.7	106.57	2040.68	200.77	1779.82	38.65	9.95	3.4	3.7	28.197	11.164	446.472	18.2	3.4
42	12.99	4683.17	18828.01	187.95	175.23	7.55	64.92	7.832	43.954	2528.754	84.667	42	70.97	3.4
43	5.7	546.73	1568.98	1082.26	2613.67	3.1	3.2	3.4	3.7	8.542	9.554	789.482	18.2	3.4
44	11.13	1358.05	103643.56	477.19	60124.01	54.75	287.68	9.45	772.081	3446.045	2520.408	7865.425	5338.139	14.103
45	5.7	189.39	5322.97	80.89	888.25	13.38	3.2	3.4	3.821	207.849	77.295	71.469	78.921	3.529
46	5.7	377.84	18890.55	177.5	2704.49	133.97	7.15	3.4	4.136	163.512	84.552	197.687	116.914	3.4
47	5.7	2114.78	5963.63	5.41	52.3	3.1	3.2	3.4	7.508	1324.231	81.496	42	18.2	3.4
48	5.7	6617.13	646.42	47.88	688.71	3.1	22.21	3.4	3.7	110.995	6.4	42	18.2	3.4
49	5.7	1267.45	8648.58	15.41	630.76	3.42	3.2	3.4	4.298	1484.917	29.305	42	18.2	3.4
50	5.7	177.97	6704.49	407.73	3383.34	100.88	44.57	3.4	8.724	134.713	295.488	216.431	97.95	3.4
51	45.49	10364.14	759304.8	182	51645.18	301.28	726.67	55.918	5922.187	44123.356	312.183	2766.35	324.87	89.176
52	5.75	2099.99	1912.27	300.59	10365.35	3.1	11.78	3.4	6.415	47.537	7.44	480.09	18.2	3.4
53	9.880	856.150	5629.190	112.170	129.000	20.860	883.240	3.400	3.700	231.966	121.395	42.000	130.968	3.400
54	5.700	7541.270	8704.770	114.870	8163.930	5.930	12.260	3.400	4.813	44.575	6.867	1092.643	18.200	3.400
55	5.700	242.560	5814.750	284.810	2328.790	11.040	7.470	3.400	5.716	41.325	38.747	377.049	47.372	3.400
56	5.700	975.540	4355.790	72.040	1045.210	13.870	16.820	3.400	3.700	122.206	9.498	166.812	18.200	3.400
57	5.700	851.090	15804.470	20.830	2502.670	3.100	16.640	8.260	20.269	157.677	18.744	242.734	18.200	3.400
58	5.700	321.580	2191.980	9.990	346.410	3.100	3.200	3.400	3.700	156.583	40.711	46.818	18.200	3.400
59	16.420	9136.970	152473.790	43.120	1000.390	42.210	25.590	9.656	30.186	3574.753	624.588	75.592	121.431	3.400
60	6.860	404.880	134311.350	390.630	3693.260	620.470	781.570	193.261	57.991	726.529	43.562	869.808	3518.019	41.070
61	30.000	5395.710	75391.150	35.640	72933.750	15.330	72.490	5.287	92.809	848.622	67.782	7709.493	140.897	23.053
62	5.700	4350.300	3646.050	63.260	262.730	3.100	5.490	3.400	3.700	67.968	6.400	42.000	18.200	3.400
63	5.700	2616.760	19580.610	280.440	194.100	27.700	10.480	3.400	3.700	512.775	227.457	42.000	18.200	3.400
64	10.830	642.950	52084.840	304.520	2551.110	223.010	354.470	514.722	138.138	2232.719	141.965	207.843	2298.560	50.961
65	5.700	466.390	16125.890	383.440	2600.650	10.960	367.830	212.413	3.700	67.744	32.516	208.469	301.594	6.789

Table S3. Metadata and immunological data dictionary

Term	Definition
HIV	HIV-1/2 Ab Serology (0 = Negative; 1 = Positive)
Chlamydia	First-void urine nucleid acid amplification test (NAAT; 0 = Negative; 1 = Positive)
Gonorrhea	First-void urine nucleid acid amplification test (NAAT; 0 = Negative; 1 = Positive)
Nugent BV Nugent	Vaginal smear Gram's stains assessed by Nugent's criteria ($\leq 6 = 0$; $\geq 7 = 1$)
Intermediate Microbiota	Vaginal smear Gram's stains assessed by Nugent's criteria ($\leq 3 = 0$; $4-6 = 1$; $\geq 7 = 0$)
HSV-1	HerpeSelect® gG-1 ELISA (0 = Negative; 1 = Positive)
HSV-2	HerpeSelect® gG-2 ELISA (0 = Negative; 1 = Positive)
HPV	Roche Linear Array for any HPV type (0 = Negative; 1 = Positive)
HR-HPV	Roche Linear Array for any High Risk HPV type (0 = Negative; 1 = Positive)
Clear HPV	Roche Linear Array positive for any HPV type then negative upon re-test at 6 months (0 = No Clear; 1 = Clear)
Persist HPV	Roche Linear Array positive for any HPV type then positive for same type upon re-test at 6 months (0 = No Persistence; 1 = Persistent)
#CD4 T Cells	Absolute number of CD4 T cells per endocervical cytobrush
#CD4+ CCR5+	Absolute number of CCR5+ CD4 T cells per endocervical cytobrush
%CCR5+ of CD4+	Proportion of endocervical CD4 T cells expressing CCR5
#CD4+ CD69+	Absolute number of CD69+ CD4 T cells per endocervical cytobrush
%CD69+ of CD4+	Proportion of endocervical CD4 T cells expressing CD69
#CD4+ CD38+ HLADR+	Absolute number of CD38+HLA-DR+ CD4 T cells per endocervical cytobrush
%CD38+ HLADR+ of CD4+	Proportion of endocervical CD4 T cells expressing CD38 and HLA-DR
#CD4+ $\alpha 4\beta 7$ +	Absolute number of $\alpha 4\beta 7$ + CD4 T cells per endocervical cytobrush
% $\alpha 4\beta 7$ + of CD4+	Proportion of endocervical CD4 T cells expressing $\alpha 4\beta 7$
#Langerhans #mDC	Absolute number of Langerhans cells (CD1a+Langerin+) per endocervical cytobrush Absolute number of myeloid dendritic cells (mDC; CD14-CD11c+) per endocervical cytobrush
#mDC exp. MR %MR+ of mDC	Absolute number of mDC expressing mannose receptor (MR; CD206) per endocervical cytobrush Proportion of endocervical mDC expressing mannose receptor (MR; CD206)
#mDC exp. DCSIGN	Absolute number of mDC expressing DC-SIGN per endocervical cytobrush
%DCSIGN+ of mDC	Proportion of endocervical mDC expressing DC-SIGN
#Monocytes	Absolute number of monocytes (CD14+) per endocervical cytobrush
#Monocytes exp. MR	Absolute number of monocytes expressing mannose receptor (MR; CD206) per endocervical cytobrush
%MR+ of Monocytes	Proportion of endocervical monocytes expressing mannose receptor (MR; CD206)
#Monocytes exp. DCSIGN	Absolute number of monocytes expressing DC-SIGN per endocervical cytobrush
%DCSIGN+ of Monocytes	Proportion of endocervical monocytes expressing DC-SIGN
CD4+ T cell Subsets in Blood	Proportion of systemic CD4+ T cells expressing various markers
Cervico-vaginal Cytokines	Concentration (pg/mL) of cytokines in undiluted cervico-vaginal secretions collected by Instead Softcup (see Table S4 for the lower limit of quantification (LLOQ) for each)