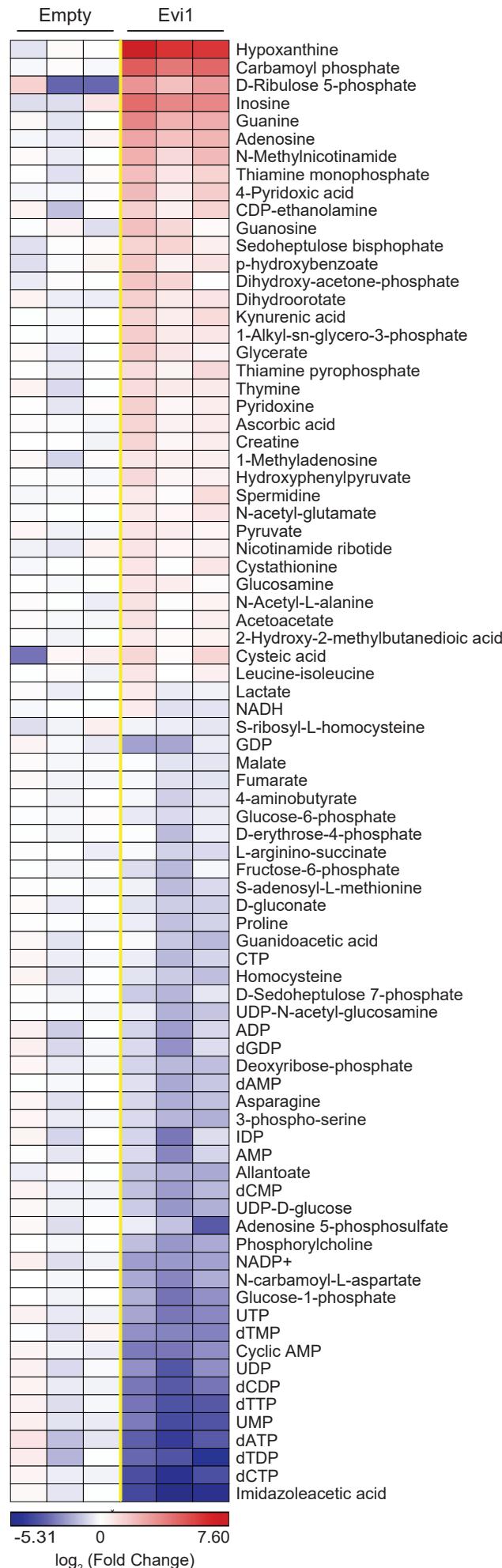
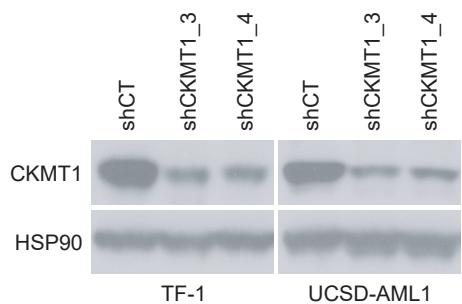


Supplementary Figure S1

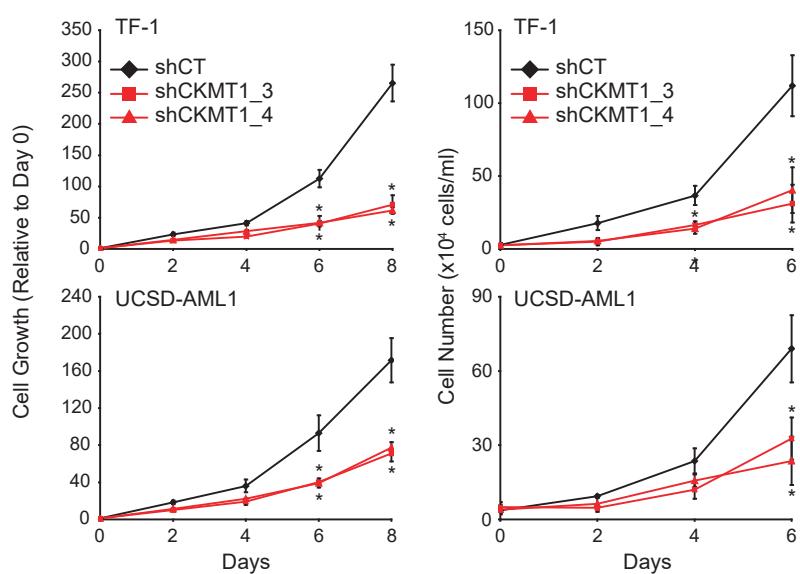


Supplementary Figure S2

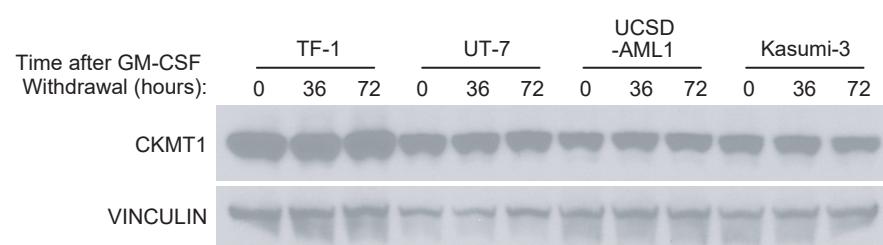
A.



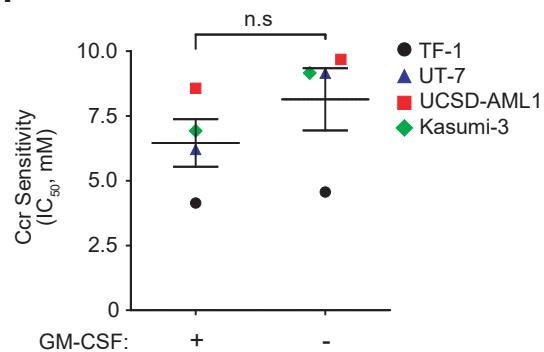
B.



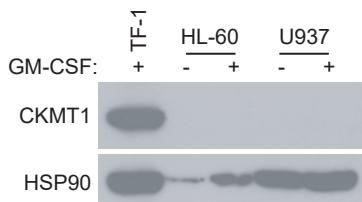
C.



D.

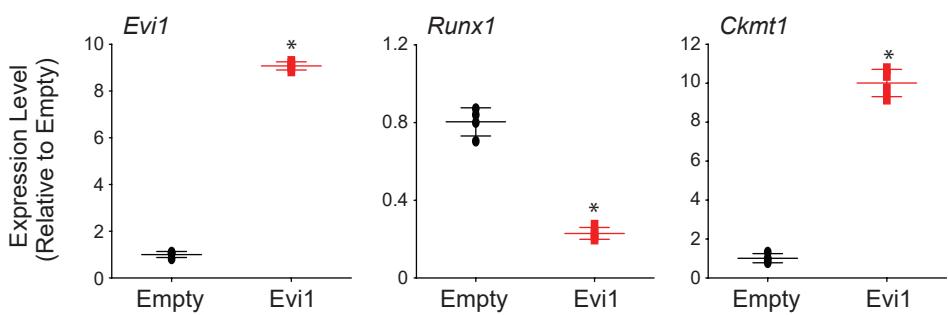


E.

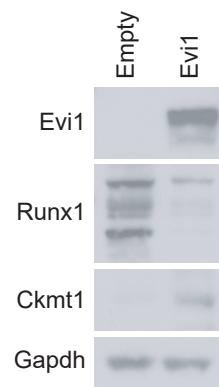


Supplementary Figure S3

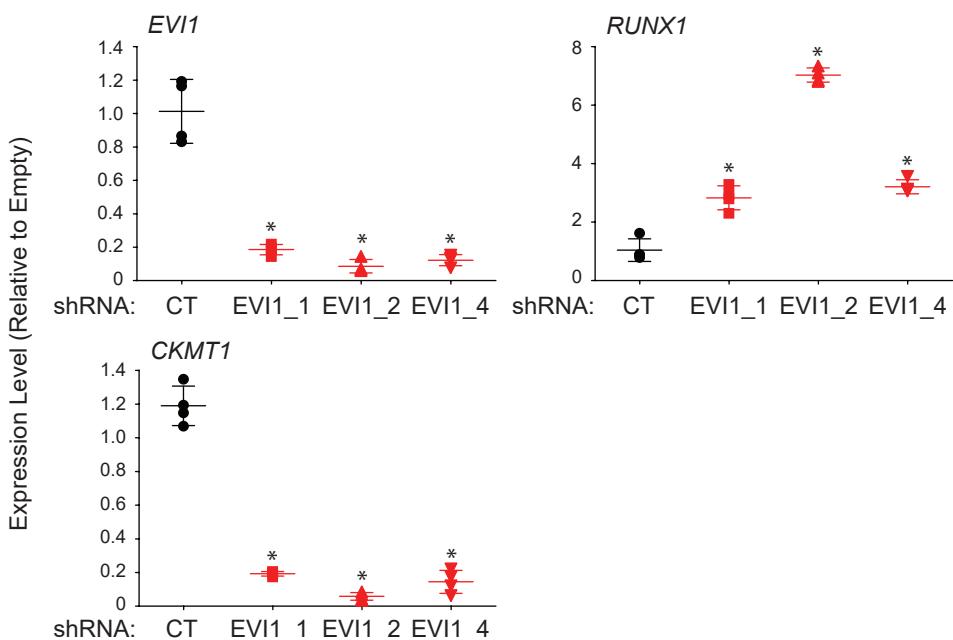
A.



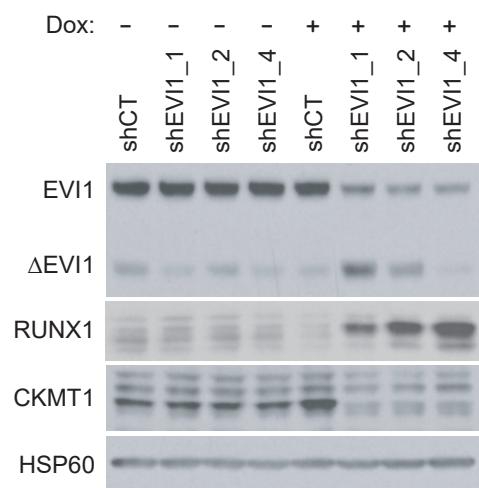
B.



C.

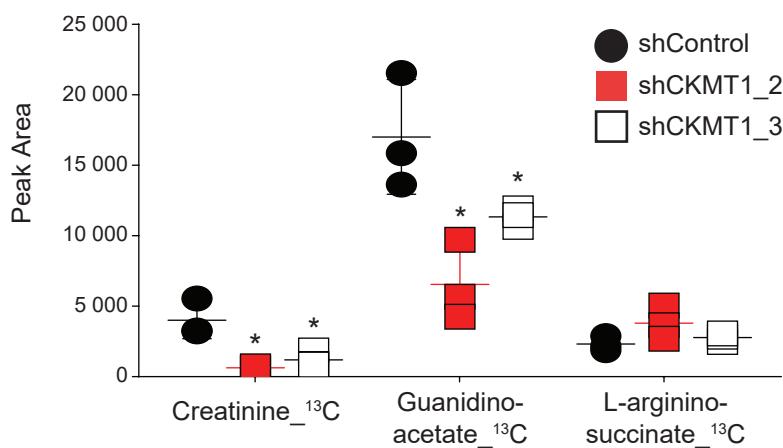


D.

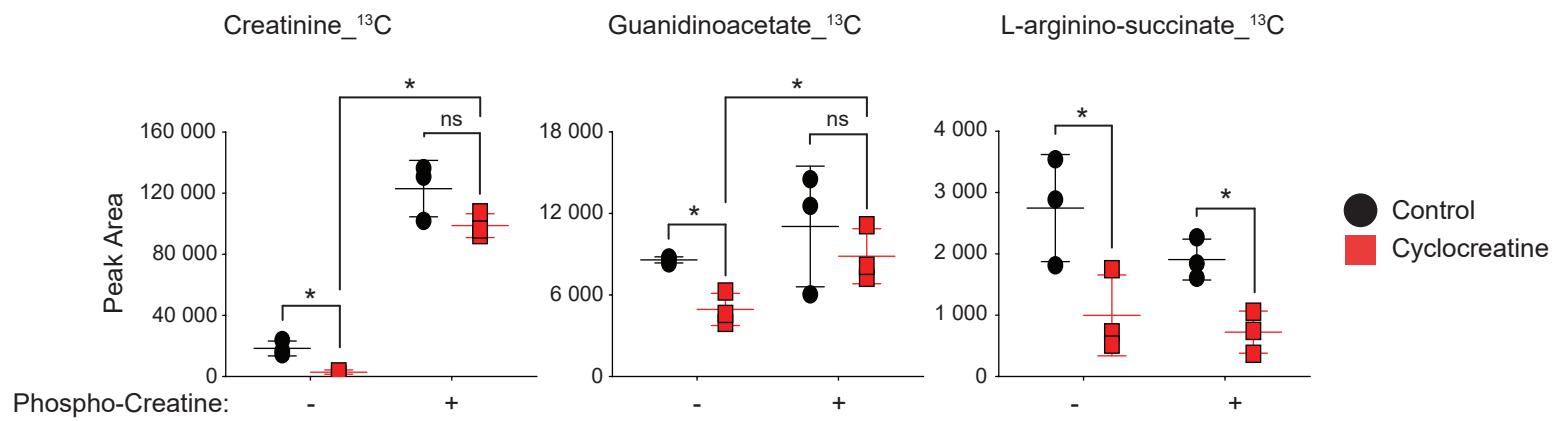


Supplementary Figure S4

A.

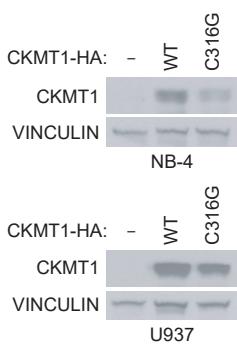


B.

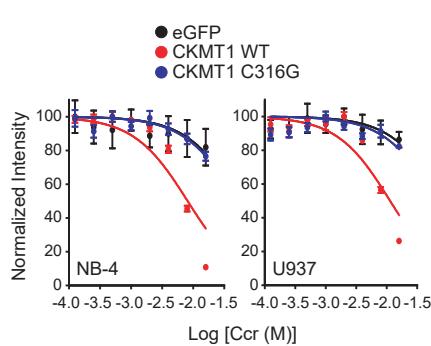


Supplementary Figure S5

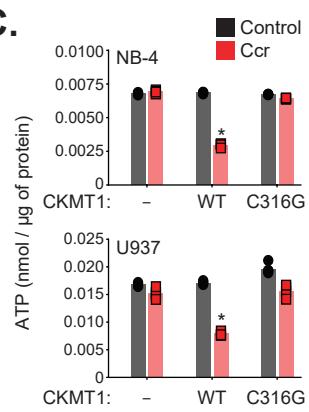
A.



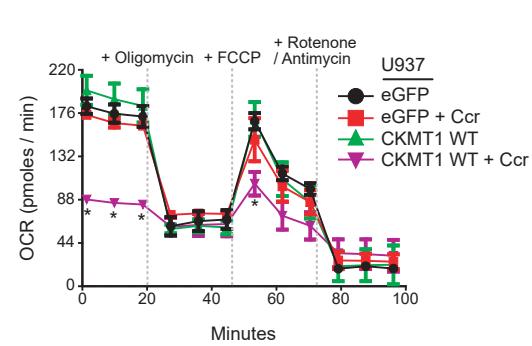
B.



C.

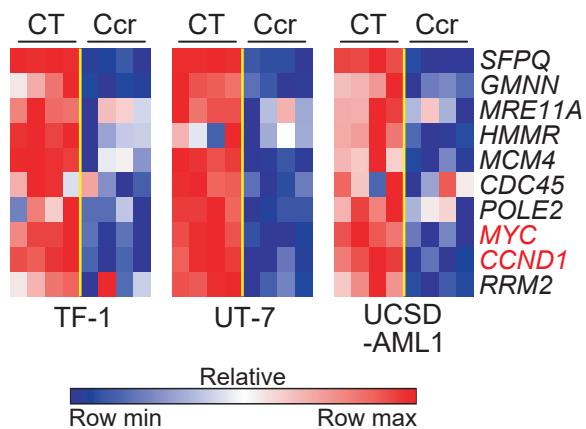


D.



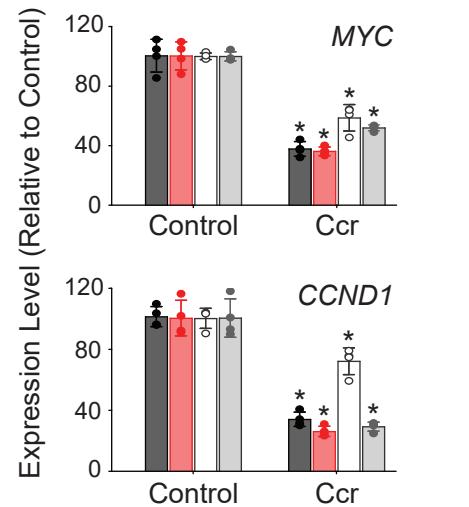
Supplementary Figure S6

A.



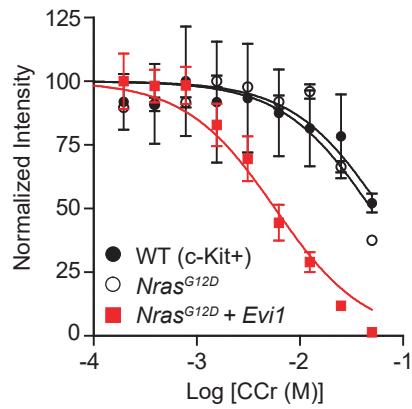
B.

Legend: Kasumi-3 (black), UT-7 (red), UCSD-AML1 (white), TF-1 (grey)

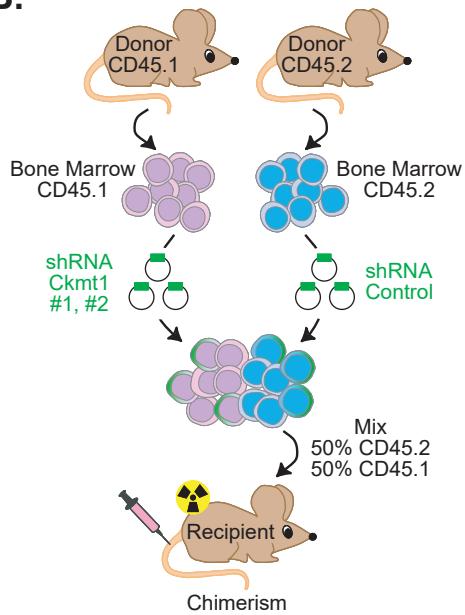


Supplementary Figure S7

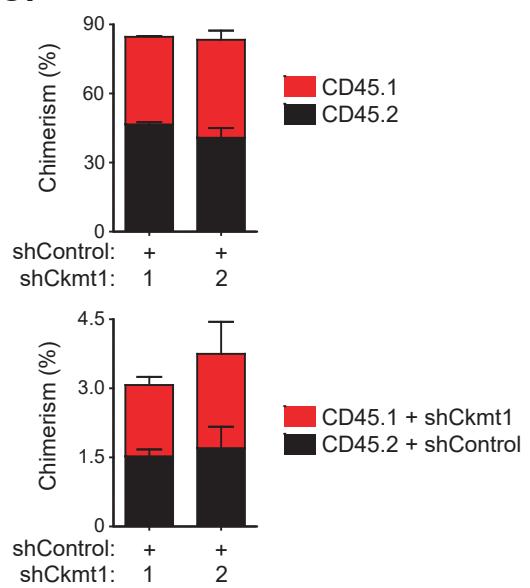
A.



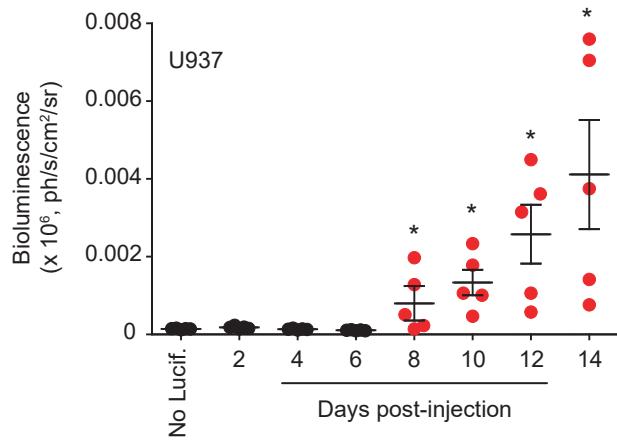
B.



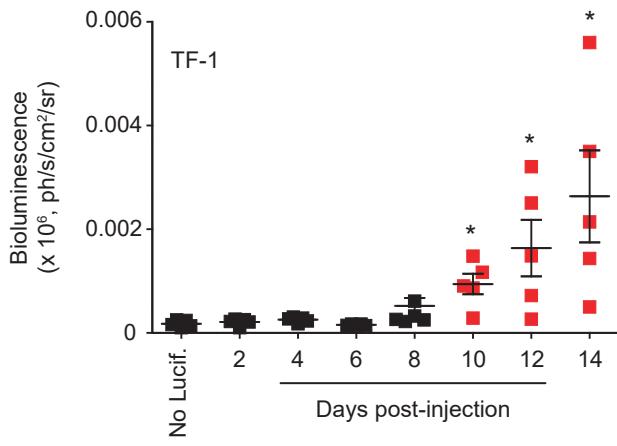
C.



D.



E.



Supplementary Table S1

Gene	Category	NES UCSD-AML1	Log10 (P Value) USCD-AML1	NES TF-1	Log10 (P Value) TF-1
DLD	Core_Depletion	-2.94	1.80	-4.11	2.64
RPIA	Core_Depletion	-1.44	1.24	-2.91	2.40
OGDH	Core_Depletion	-3.57	2.51	-2.33	1.81
SDHA	Core_Depletion	-2.13	1.38	-1.99	1.29
CS	Core_Depletion	-1.32	1.05	-1.50	1.15
ALDOC	Core_Depletion	-1.97	1.42	-1.41	1.46
CKMT1	Core_Depletion	-1.75	1.31	-1.32	1.04
GAPDH	Core_Depletion	-3.20	2.20	-1.16	1.07
ACO2	Core_Depletion	-2.72	2.00	-0.47	0.90
DLST	TF-1_Depletion	0.91	0.25	-4.21	2.92
PDK2	TF-1_Depletion	-0.74	0.64	-1.85	1.22
FBP1	TF-1_Depletion	-0.05	0.33	-1.46	0.99
PDK3	TF-1_Depletion	-0.53	0.72	-1.19	1.09
IDH2	TF-1_Depletion	-0.59	0.75	-1.07	1.24
PGLS	TF-1_Depletion	-0.44	0.68	-1.05	1.01
PRPS1	TF-1_Depletion	-0.47	0.69	-0.82	1.11
SLC2A1	UCSD-AML1_Depletion	-1.59	1.07	0.17	1.37
MDH1B	0	-1.00	0.87	-1.20	0.98
PCK1	0	-0.49	0.70	-0.89	0.92
PKM2	0	-1.35	0.96	-0.82	0.71
TKT	0	-0.90	0.68	-0.70	0.61
PGM2	0	-0.57	0.58	-0.49	0.60
SUCLG2	0	0.84	0.27	-0.39	0.55
PGAM1	0	-0.02	0.38	-0.36	0.54
PDP2	0	0.80	0.17	-0.18	0.45
PDPR	0	0.46	0.23	-0.14	0.37
PDK1	0	0.82	0.70	-0.12	0.51
PDK4	0	0.80	0.18	-0.07	0.34
PKLR	0	1.24	0.24	0.15	1.25
TALDO1	0	0.61	0.50	0.24	0.28
ACLY	0	0.42	0.31	0.30	0.42
BPGM	0	-0.20	0.45	0.30	0.49
PGK2	0	0.06	0.66	0.35	0.45
IDH3A	0	0.77	0.36	0.39	0.77
PFKL	0	0.92	0.38	0.41	0.27
SLC2A3	0	0.41	0.51	0.44	0.29
PDHB	0	0.70	0.17	0.46	0.37
PDHA1	0	0.75	0.72	0.50	0.44
TPI1	0	0.59	0.42	0.52	0.49
IDH1	0	0.59	0.39	0.52	0.38
G6PD	0	0.95	0.66	0.53	0.40
LDHC	0	0.93	0.35	0.55	0.21
PC	0	0.57	0.23	0.56	0.24
PGM1	0	0.98	0.70	0.58	0.37
PGK1	0	-0.72	0.60	0.61	0.47
DLAT	0	0.40	0.28	0.61	0.37
PRPS2	0	0.67	0.23	0.62	0.14
H6PD	0	0.69	0.64	0.65	0.46
SUCLA2	0	0.97	0.61	0.65	0.34
HK2	0	-0.72	0.64	0.85	0.73
SLC2A2	0	0.99	0.49	0.89	0.15
GCK	0	0.71	0.13	0.91	0.07
HK3	0	0.37	0.40	1.02	0.64
SUCLG1	0	0.55	0.26	1.02	0.96
ENO1	0	-0.81	0.62	1.15	0.28
LDHB	0	0.20	0.30	1.39	0.20
MDH1	0	0.70	0.59	1.33	0.75
ALDOB	UCSD-AML1_Enrichment	1.03	1.29	0.69	0.67
MDH2	UCSD-AML1_Enrichment	0.45	1.05	1.00	0.78
GPI	TF-1_Enrichment	0.98	0.13	0.97	1.13
GALM	TF-1_Enrichment	0.87	0.57	0.97	1.01
PTEN	Core_Enrichment	1.56	2.17	1.33	1.52
PCK2	Core_Enrichment	1.15	1.26	0.92	0.85
RPE	Core_Enrichment	1.28	2.40	1.02	0.90
GPD2	Core_Enrichment	1.07	1.18	1.34	1.58
TP53	Core_Enrichment	1.06	1.60	1.44	2.06
RB1	Core_Enrichment	1.79	2.24	1.73	1.32

Supplementary Table S2

#	ID	Age	Sex	Diagnosis	WHO subtype	Disease Status	FLT3	NPM1	Cytogenetics	Molecular Characteristics
1	62	F		AML	Without Maturation	relapsed/refractory	WT	unknown	46XY, t(3;3)	CEBP α negative
2	73	F		AML		relapsed	WT	mutant	karyotype failed	IDH1 mutation
3	82	M		AML		relapsed/refractory	FLT3-ITD	unknown	46XY	
4	77	M		AML		refractory	FLT3 D835	WT	46XY	
5	42	F		AML	Monoblastic Differentiation	relapsed	WT	WT	Complex Karyotype	TP53 mutation
6	67	M		AML	Monocytic Differentiation	relapsed	WT	mutant	48XY, +1; +8	
7	58	F		AML		new	WT	WT	47XX, +8	
8	n/a	M		AML		n/a	n/a	n/a	n/a	
9	72	M		AML	With MDS Related Changes	relapsed	WT	WT	45Y, t(Y;13), -20, add(3)(q11.2), del5q, add(17)(p11.2)	
10	11	M		AML		new	FLT3-ITD	unknown	46XY, add(q21), add(9)(p24)	
11	59	F		AML		relapsed/refractory	FLT3-ITD	mutant	46XX, i(4;11)	
12	73	F		AML	Myelomonocytic Features	refractory	WT	WT	46XX	
13	70	M		AML	Monocytic Differentiation	new	WT	WT	47XY, +11	
14	60	F		AML		new	WT	WT	46 XX, inv16	
15	67	F		AML	Monocytic Differentiation	new	WT	mutant	46XX	
16	58	M		AML	Monocytic Differentiation	new	WT	WT	46XY, del9q	
17	38	M		AML		relapsed	WT	unknown	Complex Karyotype	
18	71	F		AML	Without Maturation	new	WT	WT	complex karyotype, del 5q, del7q	
19	60	F		AML		relapsed	WT	unknown	47XX, +13	
20	30	M		AML	Monocytic Features	new	WT	WT	n/a	MLL-AF9
21	48	F		AML		new	WT	WT	46X, idic(X) (q13)	CEBP α single mutation
22	66.0	F		AML		new	WT	WT	Complex Karyotype	
23	71	F		AML		new	FLT3-ITD	WT	46XX, del7q	DNMT3A and IDH1 mutation
24	89	M		AML		relapsed/refractory	WT	WT	46XY, del5q	
25	58	F		AML		relapsed	FLT3-ITD	WT	46XX	
26	69	F		AML	Myelofibrosis Background	relapsed	WT	WT	unknown	JAK2V617F, IDH1, and TP53 mutations
27	25	M		AML		new	WT	WT	46XY	WT1 mutation
28	47	F		AML		new	WT	WT	Complex Karyotype	
29	n/a	n/a		AML		n/a	FLT3-ITD	n/a	n/a	
30	n/a	F		AML		refractory	n/a	n/a	n/a	
31	67	F		AML		relapsed	FLT3-ITD	mutant	46XX, t(10;12)	
32	63	M		AML		refractory	WT	WT	45XY, -7	
33	64	F		AML	Monocytic Features	new	WT	WT	complex karyotype, -5/del5q	
34	69	M		Acute Undifferentiated Leukemia		new	FLT3-ITD	WT	47XY, +13	IDH2 mutation
35	53	F		AML		relapsed	WT	WT	n/a	
36	72	M		MDS	RAEB-2	new	WT	WT	46XY	
37	52	M		AML		new	WT	WT	Complex Karyotype	TET2 and BCORL1 mutations
38	54	M		B-ALL		new	WT	WT	46XY, i3;11, t9;22	
39	44	F		AML		relapsed	WT	WT	normal karyotype at initial diagnosis	
40	60	M		AML		new	WT	WT	Complex Karyotype	
41	75	M		AML		new	WT	WT	46XY, t(8;21)	
42	44	F		AML		relapsed	FLT3-ITD, FLT3 D835	mutant	n/a	
43	49	M		AML	Monocytic	new	FLT3-ITD	mutant	46XY	
44	64	F		AML		new	WT	WT	46XX	
45	63	F		MDS	RAEB	new	WT	WT	Complex Karyotype	
46	37	M		AML		new	n/a	n/a	n/a	
47	65	F		AML	Therapy Related	relapsed	FLT3-ITD	unknown	46XX	
48	66	M		AML	Myelomonocytic Differentiation	new	FLT3 D835	mutant	46XY	
49	60	M		AML	t(15;17)	new	WT	WT	46XY, t(15;17)	
50	63	F		AML		relapsed	FLT3 D835	mutant	46XX, del7q	
51	61	M		AML		relapsed	FLT3-ITD, FLT3 D835Y	mutant	47X, -Y, del6q, +8, +14, del15q	
52	58	M		AML		new	WT	WT	48XY, +11, +22	
53	67	M		AML		refractory	WT	unknown	Complex Karyotype	
54	66	F		AML		new	FLT3-ITD	unknown	46XX	
55	63	M		AML		new	WT	WT	46XY, del20q	
56	41	M		AML		relapsed	WT	WT	45XY, -7	
57	74	M		AML	MDS Changes	new AML	WT	WT	46XY	
58	83	M		AML		refractory	FLT3-ITD	unknown	46XY	
59	75	M		AML		relapsed	WT	unknown	46X, -Y, +11, t1;22	
60	80	M		MDS		new	WT	WT	46XY, del 20q	CEBP α negative
61	75	M		AML	MDS Related Changes	new	WT	WT	n/a	
62	48	M		AML		refractory	WT	WT	Complex Karyotype	TP53 mutations
63	58	M		AML		new	FLT3-ITD	mutant	n/a	
64	65	F		AML		relapsed	WT	WT	46XX, del7q	DNMT3A and IDH2 mutations
65	57	F		AML		new	WT	WT	Complex Karyotype	TP53 mutant
66	55	M		AML	Monocytic Differentiation	new	WT	mutant	47XY, +8	
67	74	M		AML	t(15;17)	relapsed	WT	mutant	46XY, del15q	IDH1 mutation
68	52	M		AML	t(15;17)	new	FLT3-ITD	WT	46XY, t(15;17)	

Supplementary Table S3

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
1	<i>SDAD1</i>	-3,200	0.002	0.032	-10,910	0.000	0.000	-7,290	0.000	0.000	-5,530	0.000	0.000	YES
2	<i>ARF3</i>	-2,830	0.002	0.032	-7,080	0.000	0.000	-4,840	0.000	0.000	-6,310	0.000	0.000	YES
3	<i>HNRNPU</i>	-2,810	0.002	0.032	-4,330	0.000	0.000	-4,440	0.000	0.000	-3,600	0.000	0.000	YES
4	<i>HYAL3</i>	-2,740	0.002	0.032	-4,010	0.000	0.000	-4,820	0.000	0.000	-8,130	0.000	0.000	YES
5	<i>TPP2</i>	-2,720	0.002	0.032	-3,170	0.000	0.000	-6,090	0.000	0.000	-5,330	0.000	0.000	YES
6	<i>CHKA</i>	-2,670	0.002	0.032	-14,190	0.000	0.000	-20,630	0.000	0.000	-7,830	0.000	0.000	YES
7	<i>BCOR</i>	-2,610	0.002	0.032	-4,580	0.000	0.000	-10,650	0.000	0.000	-6,540	0.000	0.000	YES
8	<i>SIN3A</i>	-2,540	0.002	0.032	-3,700	0.000	0.000	-4,000	0.000	0.000	-5,620	0.000	0.000	YES
9	<i>FYB</i>	-2,500	0.002	0.032	-4,280	0.000	0.000	-9,920	0.000	0.000	-11,670	0.000	0.000	YES
10	<i>POLR2B</i>	-2,310	0.002	0.032	-2,230	0.000	0.000	-3,120	0.000	0.000	-6,570	0.000	0.000	YES
11	<i>PTCD3</i>	-2,300	0.002	0.032	-3,730	0.000	0.000	-3,980	0.000	0.000	-2,190	0.000	0.000	YES
12	<i>PTPRA</i>	-2,240	0.002	0.032	-3,540	0.000	0.000	-6,500	0.000	0.000	-5,290	0.000	0.000	YES
13	<i>INSR</i>	-2,230	0.002	0.032	-2,340	0.000	0.000	-2,030	0.000	0.000	-3,070	0.000	0.000	YES
14	<i>SMARCAD1</i>	-2,230	0.002	0.032	-2,130	0.000	0.000	-3,950	0.000	0.000	-3,200	0.000	0.000	YES
15	<i>PCNA</i>	-2,220	0.002	0.032	-2,660	0.000	0.000	-9,590	0.000	0.000	-2,710	0.000	0.000	YES
16	<i>SREBF1</i>	-2,020	0.002	0.032	-6,840	0.000	0.000	-11,010	0.000	0.000	-8,290	0.000	0.000	YES
17	<i>DHX40</i>	-2,010	0.002	0.032	-1,620	0.000	0.000	-2,320	0.000	0.000	-2,650	0.000	0.000	YES
18	<i>TFB2M</i>	-2,000	0.002	0.032	-2,270	0.000	0.000	-6,530	0.000	0.000	-2,290	0.000	0.000	YES
19	<i>DHX33</i>	-1,960	0.002	0.032	-2,200	0.000	0.000	-3,280	0.000	0.000	-5,550	0.000	0.000	YES
20	<i>PRPSAP2</i>	-1,960	0.002	0.032	-2,800	0.000	0.000	-3,440	0.000	0.000	-2,420	0.000	0.000	YES
21	<i>NFYB</i>	-1,950	0.002	0.032	-1,830	0.000	0.000	-2,560	0.000	0.000	-3,150	0.000	0.000	YES
22	<i>SFPQ</i>	-1,940	0.002	0.032	-17,980	0.000	0.000	-15,800	0.000	0.000	-13,530	0.000	0.000	YES
23	<i>RAB40B</i>	-1,920	0.002	0.032	-1,580	0.000	0.000	-3,450	0.000	0.000	-3,580	0.000	0.000	YES
24	<i>DARS2</i>	-1,920	0.002	0.032	-3,510	0.000	0.000	-6,180	0.000	0.000	-6,630	0.000	0.000	YES
25	<i>AZIN1</i>	-1,910	0.002	0.032	-5,480	0.000	0.000	-6,440	0.000	0.000	-8,260	0.000	0.000	YES
26	<i>C5orf24</i>	-1,890	0.002	0.032	-3,910	0.000	0.000	-2,240	0.000	0.000	-5,350	0.000	0.000	YES
27	<i>ETNK1</i>	-1,850	0.002	0.032	-10,040	0.000	0.000	-6,980	0.000	0.000	-11,150	0.000	0.000	YES
28	<i>AQR</i>	-1,800	0.002	0.032	-1,890	0.000	0.000	-4,140	0.000	0.000	-2,310	0.000	0.000	YES
29	<i>ETF1</i>	-1,790	0.002	0.032	-4,740	0.000	0.000	-5,240	0.000	0.000	-6,040	0.000	0.000	YES
30	<i>GLS</i>	-1,790	0.002	0.032	-7,200	0.000	0.000	-9,150	0.000	0.000	-8,640	0.000	0.000	YES
31	<i>PARP4</i>	-1,760	0.002	0.032	-3,730	0.000	0.000	-3,590	0.000	0.000	-5,400	0.000	0.000	YES
32	<i>AP4S1</i>	-1,750	0.002	0.032	-2,650	0.000	0.000	-3,150	0.000	0.000	-2,590	0.000	0.000	YES
33	<i>ARHGEF6</i>	-1,740	0.002	0.032	-3,230	0.000	0.000	-8,490	0.000	0.000	-13,070	0.000	0.000	YES
34	<i>FLYWCH2</i>	-1,730	0.002	0.032	-1,510	0.000	0.000	-2,200	0.000	0.000	-1,480	0.000	0.000	YES
35	<i>IFT74</i>	-1,730	0.002	0.032	-2,010	0.000	0.000	-2,280	0.000	0.000	-2,500	0.000	0.000	YES
36	<i>PSME4</i>	-1,730	0.002	0.032	-2,740	0.000	0.000	-2,090	0.000	0.000	-3,570	0.000	0.000	YES
37	<i>CTR9</i>	-1,720	0.002	0.032	-4,250	0.000	0.000	-7,140	0.000	0.000	-3,500	0.000	0.000	YES
38	<i>PLEKHA6</i>	-1,710	0.002	0.032	-5,190	0.000	0.000	-3,860	0.000	0.000	-5,500	0.000	0.000	YES
39	<i>PIGX</i>	-1,710	0.002	0.032	-2,270	0.000	0.000	-3,110	0.000	0.000	-1,370	0.000	0.000	YES
40	<i>HNRNPM</i>	-1,690	0.002	0.032	-6,340	0.000	0.000	-12,640	0.000	0.000	-9,960	0.000	0.000	YES
41	<i>BAZ1A</i>	-1,630	0.002	0.032	-2,080	0.000	0.000	-5,850	0.000	0.000	-3,230	0.000	0.000	YES
42	<i>SLC2A6</i>	-1,620	0.002	0.032	-2,410	0.000	0.000	-6,140	0.000	0.000	-1,400	0.000	0.000	YES
43	<i>MAVS</i>	-1,610	0.002	0.032	-4,130	0.000	0.000	-4,550	0.000	0.000	-3,500	0.000	0.000	YES
44	<i>DCLRE1A</i>	-1,590	0.002	0.032	-2,550	0.000	0.000	-4,600	0.000	0.000	-2,080	0.000	0.000	YES
45	<i>LRRK58</i>	-1,580	0.002	0.032	-1,920	0.000	0.000	-2,810	0.000	0.000	-3,270	0.000	0.000	YES
46	<i>RBM12</i>	-1,570	0.002	0.032	-3,960	0.000	0.000	-6,510	0.000	0.000	-7,210	0.000	0.000	YES
47	<i>LOC101927621</i>	-1,570	0.002	0.032	-1,810	0.000	0.000	-1,470	0.000	0.000	-2,810	0.000	0.000	YES
48	<i>NCAPD3</i>	-1,560	0.002	0.032	-3,800	0.000	0.000	-2,840	0.000	0.000	-3,500	0.000	0.000	YES
49	<i>ABHD4</i>	-1,550	0.002	0.032	-4,020	0.000	0.000	-6,260	0.000	0.000	-4,740	0.000	0.000	YES
50	<i>CFP</i>	-1,540	0.002	0.032	-3,480	0.000	0.000	-4,700	0.000	0.000	-4,570	0.000	0.000	YES
51	<i>ANKZF1</i>	-1,520	0.002	0.032	-3,310	0.000	0.000	-4,290	0.000	0.000	-0,851	0.041	0.041	YES
52	<i>ZNF345</i>	-1,510	0.002	0.032	-5,790	0.000	0.000	-2,970	0.000	0.000	-2,060	0.000	0.000	YES
53	<i>DXD49</i>	-1,500	0.002	0.032	-2,070	0.000	0.000	-7,420	0.000	0.000	-2,320	0.000	0.000	YES
54	<i>RIOK3</i>	-1,490	0.002	0.032	-4,640	0.000	0.000	-4,190	0.000	0.000	-0,956	0.041	0.041	NO
55	<i>LYRM7</i>	-1,490	0.002	0.032	-2,500	0.000	0.000	-3,770	0.000	0.000	-4,170	0.000	0.000	NO
56	<i>HEYL</i>	-1,480	0.002	0.032	-4,630	0.000	0.000	-4,050	0.000	0.000	-1,920	0.000	0.000	NO
57	<i>ACN9</i>	-1,460	0.002	0.032	-2,390	0.000	0.000	-4,590	0.000	0.000	-2,330	0.000	0.000	NO
58	<i>STYX</i>	-1,460	0.002	0.032	-1,070	0.000	0.000	-3,000	0.000	0.000	-2,300	0.000	0.000	NO
59	<i>POLR2L</i>	-1,460	0.002	0.032	-1,560	0.000	0.000	-2,400	0.000	0.000	-1,360	0.000	0.000	NO
60	<i>LOC101927027</i>	-1,450	0.002	0.032	-3,450	0.000	0.000	-2,670	0.000	0.000	-3,730	0.000	0.000	NO
61	<i>PFKFB2</i>	-1,440	0.002	0.032	-4,100	0.000	0.000	-2,590	0.000	0.000	-11,630	0.000	0.000	NO
62	<i>SCRN3</i>	-1,440	0.002	0.032	-2,880	0.000	0.000	-2,690	0.000	0.000	-2,440	0.000	0.000	NO
63	<i>MOB1B</i>	-1,440	0.002	0.032	-1,230	0.000	0.000	-1,520	0.000	0.000	-4,390	0.000	0.000	NO
64	<i>ZNF567</i>	-1,430	0.002	0.032	-5,320	0.000	0.000	-3,160	0.000	0.000	-1,510	0.000	0.000	NO
65	<i>COX11</i>	-1,430	0.002	0.032	-1,520	0.000	0.000	-4,200	0.000	0.000	-1,530	0.000	0.000	NO
66	<i>JMY</i>	-1,420	0.002	0.032	-1,720	0.000	0.000	-2,710	0.000	0.000	-2,020	0.000	0.000	NO
67	<i>ZNF302</i>	-1,410	0.002	0.032	-2,620	0.000	0.000	-3,660	0.000	0.000	-1,110	0.029	0.029	NO
68	<i>ZNF770</i>	-1,400	0.002	0.032	-1,950	0.000	0.000	-1,600	0.000	0.000	-2,080	0.000	0.000	NO
69	<i>RAP1B</i>	-1,400	0.002	0.032	-5,660	0.000	0.000	-4,250	0.000	0.000	-2,700	0.000	0.000	NO
70	<i>ZHX2</i>	-1,400	0.002	0.032	-3,300	0.000	0.000	-1,030	0.000	0.000	-2,470	0.000	0.000	NO

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
94	<i>NLK</i>	-1,280	0,002	0,032	-5,010	0,000	0,000	-6,430	0,000	0,000	-2,100	0,000	0,000	NO
95	<i>RRM2B</i>	-1,280	0,002	0,032	-2,830	0,000	0,000	-1,570	0,000	0,000	-2,840	0,000	0,000	NO
96	<i>TUG1</i>	-1,280	0,002	0,032	-2,830	0,000	0,000	-7,240	0,000	0,000	-4,950	0,000	0,000	NO
97	<i>TMEM165</i>	-1,280	0,002	0,032	-3,580	0,000	0,000	-7,830	0,000	0,000	-2,950	0,000	0,000	NO
98	<i>RPS6KA1</i>	-1,270	0,002	0,032	-4,970	0,000	0,000	-10,480	0,000	0,000	-7,300	0,000	0,000	NO
99	<i>C9orf41</i>	-1,270	0,002	0,032	-1,600	0,000	0,000	-2,770	0,000	0,000	-1,350	0,000	0,000	NO
100	<i>TMEM164</i>	-1,260	0,002	0,032	-6,350	0,000	0,000	-11,370	0,000	0,000	-8,900	0,000	0,000	NO
101	<i>TRAF3</i>	-1,260	0,002	0,032	-1,470	0,000	0,000	-4,740	0,000	0,000	-3,770	0,000	0,000	NO
102	<i>OCLN</i>	-1,260	0,002	0,032	-5,490	0,000	0,000	-1,630	0,000	0,000	-2,070	0,000	0,000	NO
103	<i>GPAM</i>	-1,260	0,002	0,032	-1,820	0,000	0,000	-5,330	0,000	0,000	-1,050	0,000	0,000	NO
104	<i>TTC37</i>	-1,260	0,002	0,032	-2,050	0,000	0,000	-0,993	0,029	0,029	-4,260	0,000	0,000	NO
105	<i>ASCC3</i>	-1,250	0,002	0,032	-1,660	0,000	0,000	-1,190	0,000	0,000	-3,410	0,000	0,000	NO
106	<i>FAXDC2</i>	-1,250	0,002	0,032	-2,740	0,000	0,000	-5,510	0,000	0,000	-1,170	0,000	0,000	NO
107	<i>MRPL35</i>	-1,250	0,002	0,032	-2,400	0,000	0,000	-5,470	0,000	0,000	-0,778	0,041	0,041	NO
108	<i>UBE2J1</i>	-1,250	0,002	0,032	-1,540	0,000	0,000	-0,805	0,029	0,029	-6,000	0,000	0,000	NO
109	<i>AHSA1</i>	-1,250	0,002	0,032	-4,180	0,000	0,000	-1,320	0,000	0,000	-1,410	0,000	0,000	NO
110	<i>UBAP2</i>	-1,240	0,002	0,032	-4,090	0,000	0,000	-4,090	0,000	0,000	-5,000	0,000	0,000	NO
111	<i>TMEM167A</i>	-1,240	0,002	0,032	-3,130	0,000	0,000	-2,580	0,000	0,000	-2,830	0,000	0,000	NO
112	<i>L2HGDH</i>	-1,240	0,002	0,032	-1,600	0,000	0,000	-2,600	0,000	0,000	-5,440	0,000	0,000	NO
113	<i>CCND1</i>	-1,237	0,002	0,032	-6,850	0,000	0,000	-6,690	0,000	0,000	-5,460	0,000	0,000	NO
114	<i>TSEN34</i>	-1,230	0,002	0,032	-1,450	0,000	0,000	-2,630	0,000	0,000	-1,770	0,000	0,000	NO
115	<i>SWI5</i>	-1,230	0,002	0,032	-1,190	0,000	0,000	-0,862	0,029	0,029	-3,400	0,000	0,000	NO
116	<i>STRN4</i>	-1,230	0,002	0,032	-2,040	0,000	0,000	-6,620	0,000	0,000	-2,260	0,000	0,000	NO
117	<i>RUVBL1</i>	-1,230	0,002	0,032	-7,280	0,000	0,000	-10,640	0,000	0,000	-9,250	0,000	0,000	NO
118	<i>MGA</i>	-1,230	0,002	0,032	-0,735	0,000	0,000	-1,530	0,000	0,000	-4,370	0,000	0,000	NO
119	<i>TMC1-AS1</i>	-1,230	0,002	0,032	-1,800	0,000	0,000	-3,600	0,000	0,000	-2,510	0,000	0,000	NO
120	<i>ATRN</i>	-1,220	0,002	0,032	-1,690	0,000	0,000	-1,160	0,029	0,029	-5,440	0,000	0,000	NO
121	<i>VPS13B</i>	-1,220	0,002	0,032	-1,370	0,000	0,000	-1,760	0,000	0,000	-2,020	0,000	0,000	NO
122	<i>ADAM15</i>	-1,220	0,002	0,032	-2,590	0,000	0,000	-6,100	0,000	0,000	-3,880	0,000	0,000	NO
123	<i>TRA2A</i>	-1,220	0,002	0,032	-0,402	0,041	0,041	-4,450	0,000	0,000	-2,790	0,000	0,000	NO
124	<i>C7orf73</i>	-1,210	0,002	0,032	-4,530	0,000	0,000	-4,180	0,000	0,000	-6,920	0,000	0,000	NO
125	<i>PTPN13</i>	-1,210	0,002	0,032	-2,750	0,000	0,000	-3,640	0,000	0,000	-3,560	0,000	0,000	NO
126	<i>BIN2</i>	-1,200	0,002	0,032	-5,910	0,000	0,000	-5,530	0,000	0,000	-8,420	0,000	0,000	NO
127	<i>DDX5</i>	-1,200	0,002	0,032	-5,810	0,000	0,000	-6,740	0,000	0,000	-3,960	0,000	0,000	NO
128	<i>PCF11</i>	-1,190	0,002	0,032	-2,180	0,000	0,000	-4,690	0,000	0,000	-2,140	0,000	0,000	NO
129	<i>CENPBD1</i>	-1,190	0,002	0,032	-2,960	0,000	0,000	-2,890	0,000	0,000	-1,500	0,000	0,000	NO
130	<i>KIF3B</i>	-1,190	0,002	0,032	-2,310	0,000	0,000	-2,260	0,000	0,000	-2,920	0,000	0,000	NO
131	<i>SRSF1</i>	-1,190	0,002	0,032	-3,850	0,000	0,000	-4,560	0,000	0,000	-3,750	0,000	0,000	NO
132	<i>UFM1</i>	-1,190	0,002	0,032	-2,870	0,000	0,000	-4,180	0,000	0,000	-3,000	0,000	0,000	NO
133	<i>AP2B1</i>	-1,190	0,002	0,032	-4,450	0,000	0,000	-6,080	0,000	0,000	-8,900	0,000	0,000	NO
134	<i>SHPRH</i>	-1,190	0,002	0,032	-1,450	0,000	0,000	-2,850	0,000	0,000	-3,320	0,000	0,000	NO
135	<i>RNF6</i>	-1,180	0,002	0,032	-1,930	0,000	0,000	-1,820	0,000	0,000	-3,250	0,000	0,000	NO
136	<i>SQSTM1</i>	-1,180	0,002	0,032	-7,730	0,000	0,000	-9,680	0,000	0,000	-0,799	0,041	0,041	NO
137	<i>C20orf197</i>	-1,180	0,002	0,032	-1,490	0,000	0,000	-5,520	0,000	0,000	-3,200	0,000	0,000	NO
138	<i>AK4</i>	-1,180	0,002	0,032	-7,150	0,000	0,000	-4,920	0,000	0,000	-8,770	0,000	0,000	NO
139	<i>ZBED8</i>	-1,180	0,002	0,032	-5,720	0,000	0,000	-4,130	0,000	0,000	-1,940	0,000	0,000	NO
140	<i>NKRF</i>	-1,170	0,002	0,032	-0,547	0,041	0,041	-1,610	0,000	0,000	-2,100	0,000	0,000	NO
141	<i>SLFN14</i>	-1,170	0,002	0,032	-3,390	0,000	0,000	-6,040	0,000	0,000	-4,950	0,000	0,000	NO
142	<i>FOXN2</i>	-1,170	0,002	0,032	-2,180	0,000	0,000	-0,564	0,041	0,041	-2,550	0,000	0,000	NO
143	<i>TOP1</i>	-1,170	0,002	0,032	-1,480	0,000	0,000	-1,630	0,000	0,000	-1,490	0,000	0,000	NO
144	<i>ZNF260</i>	-1,170	0,002	0,032	-5,300	0,000	0,000	-1,340	0,000	0,000	-6,860	0,000	0,000	NO
145	<i>FRA10AC1</i>	-1,160	0,002	0,032	-3,610	0,000	0,000	-1,090	0,000	0,000	-1,330	0,000	0,000	NO
146	<i>KRC1</i>	-1,160	0,002	0,032	-1,700	0,000	0,000	-1,060	0,029	0,029	-4,810	0,000	0,000	NO
147	<i>MGEA5</i>	-1,160	0,002	0,032	-2,460	0,000	0,000	-2,060	0,000	0,000	-2,530	0,000	0,000	NO
148	<i>TMEM45A</i>	-1,160	0,002	0,032	-1,750	0,000	0,000	-2,760	0,000	0,000	-1,940	0,000	0,000	NO
149	<i>LRIF1</i>	-1,160	0,002	0,032	-6,690	0,000	0,000	-2,880	0,000	0,000	-4,230	0,000	0,000	NO
150	<i>LDLRAP1</i>	-1,150	0,002	0,032	-3,670	0,000	0,000	-5,500	0,000	0,000	-2,090	0,000	0,000	NO
151	<i>LLGL2</i>	-1,150	0,002	0,032	-2,640	0,000	0,000	-2,020	0,000	0,000	-1,810	0,000	0,000	NO
152	<i>WAC-AS1</i>	-1,140	0,002	0,032	-3,000	0,000	0,000	-2,470	0,000	0,000	-2,550	0,000	0,000	NO
153	<i>PHF7</i>	-1,140	0,002	0,032	-25,950	0,000	0,000	-1,610	0,000	0,000	-1,410	0,000	0,000	NO
154	<i>ANKRD13C</i>	-1,130	0,002	0,032	-2,020	0,000	0,000	-3,000	0,000	0,000	-4,780	0,000	0,000	NO
155	<i>TBXA2R</i>	-1,130	0,002	0,032	-1,960	0,000	0,000	-4,320	0,000	0,000	-0,445	0,041	0,041	NO
156	<i>BZW1</i>	-1,130	0,002	0,032	-12,640	0,000	0,000	-5,960	0,000	0,000	-4,140	0,000	0,000	NO
157	<i>CD300A</i>	-1,130	0,002	0,032	-4,190	0,000	0,000	-10,620	0,000	0,000	-1,210	0,041	0,041	NO
158	<i>MYLK4</i>	-1,130	0,002	0,032	-1,390	0,000	0,000	-1,620	0,000	0,000	-2,380	0,000	0,000	NO
159	<i>ATG9A</i>	-1,130	0,002	0,032	-6,570	0,000	0,000	-2,010	0,000	0,000	-1,340	0,000	0,000	NO
160	<i>TIMM23</i>	-1,130	0,002	0,032	-0,780	0,041	0,041	-3,200	0,000	0,000	-2,480	0,000	0,000	NO
161	<i>AKT1</i>	-1,130	0,002	0,032	-2,070	0,000	0,000	-6,050	0,000	0,000	-1,500	0,000	0,000	NO
162	<i>CEP76</i>	-1,120	0,002	0,032	-9,930	0,000	0,000	-1,510	0,000	0,000	-1,740	0,000	0,000	NO
163	<i>SLC12A9</i>	-1,120	0,002	0,032	-2,060	0,000	0,000	-6,100	0,000	0,000	-			

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
190	<i>ARIH2</i>	-1,060	0,002	0,032	-1,840	0,000	0,000	-13,930	0,000	0,000	0,138	0,041	0,041	NO
191	<i>STARD8</i>	-1,060	0,002	0,032	-5,450	0,000	0,000	-4,320	0,000	0,000	-2,870	0,000	0,000	NO
192	<i>HPS1</i>	-1,060	0,002	0,032	-5,050	0,000	0,000	-6,800	0,000	0,000	-1,630	0,000	0,000	NO
193	<i>GTF2B</i>	-1,050	0,002	0,032	-1,420	0,000	0,000	-0,801	0,029	0,029	-3,440	0,000	0,000	NO
194	<i>TRAFD1</i>	-1,050	0,002	0,032	-3,090	0,000	0,000	-4,830	0,000	0,000	-3,910	0,000	0,000	NO
195	<i>VDR</i>	-1,050	0,002	0,032	-8,080	0,000	0,000	-4,320	0,000	0,000	-4,050	0,000	0,000	NO
196	<i>EEFSEC</i>	-1,050	0,002	0,032	-2,920	0,000	0,000	-1,490	0,000	0,000	-0,211	0,041	0,041	NO
197	<i>LINC01215</i>	-1,040	0,002	0,032	-2,380	0,000	0,000	-4,460	0,000	0,000	-1,180	0,000	0,000	NO
198	<i>PRORSD1P</i>	-1,040	0,002	0,032	-0,705	0,041	0,041	-2,120	0,000	0,000	-0,808	0,041	0,041	NO
199	<i>SRRT</i>	-1,040	0,002	0,032	-8,190	0,000	0,000	-10,740	0,000	0,000	-7,040	0,000	0,000	NO
200	<i>ZBED5-AS1</i>	-1,040	0,002	0,032	-2,190	0,000	0,000	-3,690	0,000	0,000	-1,670	0,000	0,000	NO
201	<i>PTDSS2</i>	-1,030	0,002	0,032	-2,750	0,000	0,000	-14,940	0,000	0,000	-0,437	0,041	0,041	NO
202	<i>IKZF4</i>	-1,030	0,002	0,032	-6,220	0,000	0,000	-2,880	0,000	0,000	-3,040	0,000	0,000	NO
203	<i>DEEND4A</i>	-1,030	0,002	0,032	-2,720	0,000	0,000	-5,030	0,000	0,000	-4,760	0,000	0,000	NO
204	<i>SOCS1</i>	-1,030	0,002	0,032	-1,720	0,000	0,000	-1,790	0,000	0,000	-0,843	0,029	0,029	NO
205	<i>XPO4</i>	-1,030	0,002	0,032	-1,040	0,000	0,000	-1,120	0,029	0,029	-1,800	0,000	0,000	NO
206	<i>MSANTD4</i>	-1,020	0,002	0,032	-4,470	0,000	0,000	-2,580	0,000	0,000	-2,410	0,000	0,000	NO
207	<i>SNX6</i>	-1,020	0,002	0,032	-1,310	0,000	0,000	-3,100	0,000	0,000	-2,420	0,000	0,000	NO
208	<i>LOC100288842</i>	-1,020	0,002	0,032	-0,945	0,029	0,029	-0,920	0,029	0,029	-2,620	0,000	0,000	NO
209	<i>PIM2</i>	-1,020	0,002	0,032	-9,230	0,000	0,000	-15,250	0,000	0,000	-8,160	0,000	0,000	NO
210	<i>DNAJC12</i>	-1,020	0,002	0,032	-2,600	0,000	0,000	-3,150	0,000	0,000	-3,670	0,000	0,000	NO
211	<i>ZNF37A</i>	-1,020	0,002	0,032	-1,480	0,000	0,000	-3,140	0,000	0,000	-4,010	0,000	0,000	NO
212	<i>LOC100506674</i>	-1,010	0,002	0,032	-1,310	0,000	0,000	-3,250	0,000	0,000	-1,770	0,000	0,000	NO
213	<i>SAPCD2</i>	-1,010	0,002	0,032	-4,070	0,000	0,000	-6,600	0,000	0,000	-1,460	0,000	0,000	NO
214	<i>ESYT1</i>	-1,010	0,002	0,032	-1,250	0,000	0,000	-6,890	0,000	0,000	-6,570	0,000	0,000	NO
215	<i>BRC3C</i>	-1,010	0,002	0,032	-8,750	0,000	0,000	-3,220	0,000	0,000	-2,110	0,000	0,000	NO
216	<i>METTL20</i>	-1,010	0,002	0,032	-2,200	0,000	0,000	-0,468	0,041	0,041	-1,890	0,000	0,000	NO
217	<i>YLPM1</i>	-1,010	0,002	0,032	-2,080	0,000	0,000	-3,190	0,000	0,000	-2,150	0,000	0,000	NO
218	<i>PPP2R5D</i>	-1,000	0,002	0,032	-8,990	0,000	0,000	-3,420	0,000	0,000	-2,860	0,000	0,000	NO
219	<i>CHAC2</i>	-1,000	0,002	0,032	-0,569	0,041	0,041	-1,490	0,000	0,000	-1,160	0,000	0,000	NO
220	<i>PGRMC2</i>	-1,000	0,002	0,032	-1,750	0,000	0,000	-3,870	0,000	0,000	-2,400	0,000	0,000	NO
221	<i>DNPEP</i>	-1,000	0,002	0,032	-1,660	0,000	0,000	-2,810	0,000	0,000	-1,100	0,029	0,029	NO
222	<i>TSNAX</i>	-1,000	0,002	0,032	-3,670	0,000	0,000	-4,390	0,000	0,000	-7,610	0,000	0,000	NO
223	<i>LYSMD4</i>	-0,998	0,002	0,032	-0,835	0,041	0,041	-1,910	0,000	0,000	-1,720	0,000	0,000	NO
224	<i>SPTSSA</i>	-0,993	0,002	0,032	-7,640	0,000	0,000	-4,930	0,000	0,000	-3,490	0,000	0,000	NO
225	<i>SASS6</i>	-0,993	0,002	0,032	-2,770	0,000	0,000	-2,310	0,000	0,000	-2,130	0,000	0,000	NO
226	<i>IKBIP</i>	-0,989	0,002	0,032	-1,150	0,000	0,000	-2,310	0,000	0,000	-1,080	0,000	0,000	NO
227	<i>BBS10</i>	-0,984	0,002	0,032	-2,250	0,000	0,000	-1,540	0,000	0,000	-6,030	0,000	0,000	NO
228	<i>PNPT1</i>	-0,983	0,002	0,032	-1,360	0,000	0,000	-2,720	0,000	0,000	-1,880	0,000	0,000	NO
229	<i>BAK1</i>	-0,983	0,002	0,032	-3,300	0,000	0,000	-3,190	0,000	0,000	0,073	0,041	0,041	NO
230	<i>PES1</i>	-0,983	0,002	0,032	-1,740	0,000	0,000	-3,320	0,000	0,000	-1,880	0,000	0,000	NO
231	<i>AMPD2</i>	-0,982	0,002	0,032	-3,150	0,000	0,000	-2,310	0,000	0,000	-0,129	0,041	0,041	NO
232	<i>NPB</i>	-0,982	0,002	0,032	-1,550	0,000	0,000	-2,610	0,000	0,000	-0,846	0,041	0,041	NO
233	<i>TXNL4B</i>	-0,981	0,002	0,032	-0,718	0,041	0,041	-3,690	0,000	0,000	-4,550	0,000	0,000	NO
234	<i>PPFIA1</i>	-0,979	0,002	0,032	-1,910	0,000	0,000	-1,750	0,000	0,000	-1,750	0,000	0,000	NO
235	<i>USP8</i>	-0,978	0,002	0,032	-1,850	0,000	0,000	-2,080	0,000	0,000	-3,770	0,000	0,000	NO
236	<i>C6orf37</i>	-0,978	0,002	0,032	-0,781	0,041	0,041	-1,880	0,000	0,000	-0,790	0,041	0,041	NO
237	<i>OAZ3</i>	-0,977	0,002	0,032	-1,530	0,000	0,000	-1,470	0,000	0,000	-0,656	0,041	0,041	NO
238	<i>DIS3</i>	-0,975	0,002	0,032	-0,782	0,041	0,041	-1,950	0,000	0,000	-4,630	0,000	0,000	NO
239	<i>PH1D1</i>	-0,974	0,002	0,032	-1,810	0,000	0,000	-3,040	0,000	0,000	-1,250	0,000	0,000	NO
240	<i>PCID2</i>	-0,974	0,002	0,032	-0,529	0,041	0,041	-4,890	0,000	0,000	-1,130	0,029	0,029	NO
241	<i>SRP14-AS1</i>	-0,972	0,002	0,032	-1,910	0,000	0,000	-1,180	0,000	0,000	-0,728	0,041	0,041	NO
242	<i>NUP188</i>	-0,970	0,002	0,032	-5,490	0,000	0,000	-7,260	0,000	0,000	-3,660	0,000	0,000	NO
243	<i>UBE2W</i>	-0,968	0,002	0,032	-3,320	0,000	0,000	-1,630	0,000	0,000	-2,230	0,000	0,000	NO
244	<i>MAP2K5</i>	-0,966	0,002	0,032	-0,899	0,029	0,029	-2,000	0,000	0,000	-1,570	0,000	0,000	NO
245	<i>PPIL1</i>	-0,966	0,002	0,032	-2,740	0,000	0,000	-4,940	0,000	0,000	-2,290	0,000	0,000	NO
246	<i>MED17</i>	-0,965	0,002	0,032	-1,880	0,000	0,000	-3,050	0,000	0,000	-1,710	0,000	0,000	NO
247	<i>MRE11A</i>	-0,965	0,002	0,032	-1,220	0,000	0,000	-1,720	0,000	0,000	-1,200	0,000	0,000	NO
248	<i>PGK1</i>	-0,964	0,002	0,032	-4,710	0,000	0,000	-4,130	0,000	0,000	-3,760	0,000	0,000	NO
249	<i>TMX2</i>	-0,963	0,002	0,032	-1,220	0,029	0,029	-4,230	0,000	0,000	-0,086	0,041	0,041	NO
250	<i>WDR37</i>	-0,963	0,002	0,032	-1,250	0,029	0,029	-3,160	0,000	0,000	-2,930	0,000	0,000	NO
251	<i>ABHD2</i>	-0,961	0,002	0,032	-2,680	0,000	0,000	-3,360	0,000	0,000	-6,560	0,000	0,000	NO
252	<i>RTN4RL2</i>	-0,960	0,002	0,032	-4,010	0,000	0,000	-2,580	0,000	0,000	-0,507	0,041	0,041	NO
253	<i>AGL</i>	-0,959	0,002	0,032	-2,280	0,000	0,000	-1,700	0,000	0,000	-4,990	0,000	0,000	NO
254	<i>SLC35C1</i>	-0,959	0,002	0,032	-2,410	0,000	0,000	-1,630	0,000	0,000	-1,290	0,000	0,000	NO
255	<i>VPS41</i>	-0,958	0,002	0,032	-2,510	0,000	0,000	-3,050	0,000	0,000	-2,930	0,000	0,000	NO
256	<i>WRN</i>	-0,958	0,002	0,032	-1,620	0,000	0,000	-4,190	0,000	0,000	-2,540	0,000	0,000	NO
257	<i>ZFP41</i>	-0,957	0,002	0,032	-2,040	0,000	0,000	-1,980	0,000	0,000	-1,760	0,000	0,000	NO
258	<i>LARP4</i>	-0,954	0,002	0,032	-2,100	0,000	0,000	-3,080	0,000	0,000	-2,040	0,000	0,000	NO
259	<i>LINC00174</i>	-0,948	0,002	0,032	-1,060	0,000	0,000	-1,730	0,000					

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
286	<i>MLLT10</i>	-0.913	0.002	0.032	-1,460	0,000	0,000	-2,040	0,000	0,000	-1,300	0,029	0,029	NO
287	<i>DLEU1</i>	-0.913	0.002	0.032	-2,070	0,000	0,000	-3,310	0,000	0,000	-0,592	0,041	0,041	NO
288	<i>SDF2L1</i>	-0.911	0.002	0.032	-1,270	0,000	0,000	-1,760	0,000	0,000	-4,310	0,000	0,000	NO
289	<i>IRAK4</i>	-0.910	0.002	0.032	-2,630	0,000	0,000	-1,850	0,000	0,000	-1,250	0,000	0,000	NO
290	<i>ZCCHC17</i>	-0.909	0.002	0.032	-1,630	0,000	0,000	-1,980	0,000	0,000	-2,340	0,000	0,000	NO
291	<i>DNAAF2</i>	-0.909	0.002	0.032	-1,240	0,000	0,000	-3,700	0,000	0,000	-0,941	0,000	0,000	NO
292	<i>RFX3</i>	-0.909	0.002	0.032	-2,610	0,000	0,000	-3,320	0,000	0,000	-3,630	0,000	0,000	NO
293	<i>RASSF7</i>	-0.908	0.002	0.032	-2,430	0,000	0,000	-2,460	0,000	0,000	-0,567	0,041	0,041	NO
294	<i>TXNDC16</i>	-0.906	0.002	0.032	-1,490	0,000	0,000	-4,480	0,000	0,000	-6,080	0,000	0,000	NO
295	<i>NARF</i>	-0.906	0.002	0.032	-6,320	0,000	0,000	-12,400	0,000	0,000	-2,880	0,000	0,000	NO
296	<i>LMTK3</i>	-0.903	0.002	0.032	-2,460	0,000	0,000	-2,680	0,000	0,000	0,041	0,041	0,041	NO
297	<i>EGFL7</i>	-0.903	0.002	0.032	-3,410	0,000	0,000	-7,760	0,000	0,000	-0,182	0,041	0,041	NO
298	<i>DDX46</i>	-0.902	0.002	0.032	-2,400	0,000	0,000	-2,720	0,000	0,000	-2,960	0,000	0,000	NO
299	<i>INTS8</i>	-0.900	0.002	0.032	-1,010	0,029	0,029	-2,780	0,000	0,000	-2,990	0,000	0,000	NO
300	<i>LINC01011</i>	-0.899	0.002	0.032	-3,470	0,000	0,000	-1,940	0,000	0,000	-1,560	0,000	0,000	NO
301	<i>CDC42SE1</i>	-0.898	0.002	0.032	-4,550	0,000	0,000	-5,890	0,000	0,000	0,148	0,041	0,041	NO
302	<i>FUT1</i>	-0.897	0.002	0.032	-3,970	0,000	0,000	-0,982	0,029	0,029	-3,830	0,000	0,000	NO
303	<i>LMBR1</i>	-0.897	0.002	0.032	-1,240	0,000	0,000	-2,390	0,000	0,000	-3,690	0,000	0,000	NO
304	<i>ZNF420</i>	-0.896	0.002	0.032	-2,220	0,000	0,000	-1,670	0,000	0,000	-2,180	0,000	0,000	NO
305	<i>ZFP62</i>	-0.896	0.002	0.032	-1,540	0,000	0,000	-1,560	0,000	0,000	-0,929	0,000	0,000	NO
306	<i>IQCE</i>	-0.895	0.002	0.032	-1,970	0,000	0,000	-3,710	0,000	0,000	-1,190	0,000	0,000	NO
307	<i>SCAMP1-AS1</i>	-0.895	0.002	0.032	-2,400	0,000	0,000	-3,060	0,000	0,000	-3,710	0,000	0,000	NO
308	<i>MCM4</i>	-0.893	0.002	0.032	-2,470	0,000	0,000	-11,400	0,000	0,000	-2,250	0,000	0,000	NO
309	<i>TRAPPC11</i>	-0.892	0.002	0.032	-1,260	0,000	0,000	-3,690	0,000	0,000	-2,360	0,000	0,000	NO
310	<i>TPMT</i>	-0.891	0.002	0.032	-6,500	0,000	0,000	-4,920	0,000	0,000	-2,560	0,000	0,000	NO
311	<i>JUNB</i>	-0.889	0.002	0.032	-5,910	0,000	0,000	-3,390	0,000	0,000	0,357	0,041	0,041	NO
312	<i>GNL3L</i>	-0.888	0.002	0.032	-2,820	0,000	0,000	-1,680	0,000	0,000	-1,880	0,000	0,000	NO
313	<i>ABCC4</i>	-0.886	0.002	0.032	-4,190	0,000	0,000	-5,380	0,000	0,000	-12,990	0,000	0,000	NO
314	<i>MGST2</i>	-0.885	0.002	0.032	-2,020	0,000	0,000	-5,930	0,000	0,000	-1,980	0,000	0,000	NO
315	<i>MBTD1</i>	-0.884	0.002	0.032	-2,970	0,000	0,000	-1,360	0,000	0,000	-4,060	0,000	0,000	NO
316	<i>ZNF788</i>	-0.884	0.002	0.032	-3,600	0,000	0,000	-1,030	0,029	0,029	-3,620	0,000	0,000	NO
317	<i>SLBP</i>	-0.883	0.002	0.032	-1,860	0,000	0,000	-9,390	0,000	0,000	-7,400	0,000	0,000	NO
318	<i>CSTF3</i>	-0.879	0.002	0.032	-2,050	0,000	0,000	-6,560	0,000	0,000	-3,540	0,000	0,000	NO
319	<i>VPS13C</i>	-0.878	0.002	0.032	-0,755	0,041	0,041	-0,721	0,041	0,041	-1,700	0,000	0,000	NO
320	<i>UTP23</i>	-0.876	0.002	0.032	-2,030	0,000	0,000	-5,950	0,000	0,000	-2,600	0,000	0,000	NO
321	<i>OSBPL8</i>	-0.876	0.002	0.032	-1,530	0,000	0,000	-1,070	0,029	0,029	-2,210	0,000	0,000	NO
322	<i>NUP107</i>	-0.875	0.002	0.032	-1,810	0,000	0,000	-3,520	0,000	0,000	-5,040	0,000	0,000	NO
323	<i>RBM12B</i>	-0.875	0.002	0.032	-1,900	0,000	0,000	-0,654	0,041	0,041	-1,700	0,000	0,000	NO
324	<i>MIR210HG</i>	-0.873	0.002	0.032	-0,907	0,041	0,041	-2,520	0,000	0,000	-1,520	0,000	0,000	NO
325	<i>MAPKAPK5</i>	-0.873	0.002	0.032	-0,747	0,041	0,041	-2,890	0,000	0,000	-2,960	0,000	0,000	NO
326	<i>MFHAS1</i>	-0.873	0.002	0.032	-1,790	0,000	0,000	-8,270	0,000	0,000	-2,720	0,000	0,000	NO
327	<i>COPS3</i>	-0.873	0.002	0.032	-0,882	0,041	0,041	-2,720	0,000	0,000	-2,050	0,000	0,000	NO
328	<i>NATD1</i>	-0.872	0.002	0.032	-2,200	0,000	0,000	-3,020	0,000	0,000	-1,580	0,000	0,000	NO
329	<i>AIDA</i>	-0.869	0.002	0.032	-0,860	0,029	0,029	-1,850	0,000	0,000	-0,825	0,029	0,029	NO
330	<i>C12orf76</i>	-0.869	0.002	0.032	-1,970	0,000	0,000	-1,150	0,000	0,000	-1,970	0,000	0,000	NO
331	<i>MTERF2</i>	-0.868	0.002	0.032	-3,480	0,000	0,000	-3,380	0,000	0,000	-0,871	0,029	0,029	NO
332	<i>RASA3</i>	-0.865	0.002	0.032	-2,860	0,000	0,000	-7,240	0,000	0,000	-2,120	0,000	0,000	NO
333	<i>SLC11A2</i>	-0.861	0.002	0.032	-3,360	0,000	0,000	-5,280	0,000	0,000	-2,320	0,000	0,000	NO
334	<i>CWF19L1</i>	-0.859	0.002	0.032	-3,140	0,000	0,000	-0,892	0,041	0,041	-5,710	0,000	0,000	NO
335	<i>HSPA6</i>	-0.858	0.002	0.032	-4,500	0,000	0,000	-2,090	0,000	0,000	-1,250	0,000	0,000	NO
336	<i>NCLN</i>	-0.854	0.002	0.032	-5,950	0,000	0,000	-4,250	0,000	0,000	-3,250	0,000	0,000	NO
337	<i>TRAM2-AS1</i>	-0.853	0.002	0.032	-1,730	0,000	0,000	-3,550	0,000	0,000	-0,415	0,041	0,041	NO
338	<i>XPNPEP3</i>	-0.853	0.002	0.032	-0,927	0,029	0,029	-0,543	0,041	0,041	-3,430	0,000	0,000	NO
339	<i>SS18L2</i>	-0.853	0.002	0.032	-1,620	0,000	0,000	-1,750	0,000	0,000	-1,340	0,000	0,000	NO
340	<i>C14orf142</i>	-0.852	0.002	0.032	-6,250	0,000	0,000	-4,450	0,000	0,000	-3,340	0,000	0,000	NO
341	<i>DPM1</i>	-0.851	0.002	0.032	-1,330	0,029	0,029	-2,370	0,000	0,000	-2,380	0,000	0,000	NO
342	<i>RNF139-AS1</i>	-0.850	0.002	0.032	-1,980	0,000	0,000	-1,420	0,000	0,000	-0,589	0,041	0,041	NO
343	<i>WDR31</i>	-0.849	0.002	0.032	-1,060	0,041	0,041	-1,040	0,029	0,029	-3,800	0,000	0,000	NO
344	<i>KIF2C</i>	-0.849	0.002	0.032	-5,730	0,000	0,000	-6,880	0,000	0,000	-0,231	0,041	0,041	NO
345	<i>TPD52L2</i>	-0.847	0.002	0.032	-2,220	0,000	0,000	-5,580	0,000	0,000	-2,490	0,000	0,000	NO
346	<i>SPN</i>	-0.846	0.002	0.032	-4,830	0,000	0,000	-5,540	0,000	0,000	-7,440	0,000	0,000	NO
347	<i>EIF3J</i>	-0.844	0.002	0.032	-0,545	0,041	0,041	-3,190	0,000	0,000	-2,280	0,000	0,000	NO
348	<i>PPFI4A3</i>	-0.843	0.002	0.032	-6,860	0,000	0,000	-1,750	0,000	0,000	-0,638	0,041	0,041	NO
349	<i>C11orf54</i>	-0.842	0.002	0.032	-3,600	0,000	0,000	-4,790	0,000	0,000	-6,660	0,000	0,000	NO
350	<i>BAG5</i>	-0.842	0.002	0.032	-1,240	0,000	0,000	-2,580	0,000	0,000	-6,790	0,000	0,000	NO
351	<i>CCDC125</i>	-0.840	0.002	0.032	-1,390	0,000	0,000	-1,340	0,000	0,000	-5,510	0,000	0,000	NO
352	<i>FAM212B</i>	-0.839	0.002	0.032	-4,390	0,000	0,000	-8,610	0,000	0,000	-3,330	0,000	0,000	NO
353	<i>TEX261</i>	-0.838	0.002	0.032	-3,800	0,000	0,000	-9,340	0,000	0,000	-3,320	0,000	0,000	NO
354	<i>SHOC2</i>	-0.838	0.002	0.032	-1,540	0,000	0,000	-0,445	0,041	0,041	-1,290	0,000	0,000	NO
355	<i>ZSCAN31</i>	-0.838	0.002	0.032	-3,030	0,000	0,000	-3,910	0,0					

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
382	<i>BTG1</i>	-0.809	0.002	0.032	-3.290	0.000	0.000	-4.450	0.000	0.000	-2.210	0.000	0.000	NO
383	<i>PAFAH2</i>	-0.809	0.002	0.032	-0.795	0.000	0.000	-0.814	0.041	0.041	-1.130	0.000	0.000	NO
384	<i>GDE1</i>	-0.809	0.002	0.032	-2.280	0.000	0.000	-3.090	0.000	0.000	0.373	0.041	0.041	NO
385	<i>PUM1</i>	-0.806	0.002	0.032	-1.560	0.000	0.000	-6.600	0.000	0.000	-6.980	0.000	0.000	NO
386	<i>TRAF4</i>	-0.806	0.002	0.032	-3.460	0.000	0.000	-8.840	0.000	0.000	-2.660	0.000	0.000	NO
387	<i>LYRM5</i>	-0.805	0.002	0.032	-1.240	0.000	0.000	-2.060	0.000	0.000	-2.180	0.000	0.000	NO
388	<i>TP11</i>	-0.805	0.002	0.032	-1.260	0.029	0.029	-3.060	0.000	0.000	-2.130	0.000	0.000	NO
389	<i>TXLNG</i>	-0.803	0.002	0.032	-2.600	0.000	0.000	-2.250	0.000	0.000	-2.540	0.000	0.000	NO
390	<i>SLTM</i>	-0.801	0.002	0.032	-3.300	0.000	0.000	-3.220	0.000	0.000	-4.670	0.000	0.000	NO
391	<i>GSR</i>	-0.801	0.002	0.032	-4.910	0.000	0.000	-2.990	0.000	0.000	-3.170	0.000	0.000	NO
392	<i>ERP27</i>	-0.801	0.002	0.032	-0.817	0.029	0.029	-0.441	0.041	0.041	-1.950	0.000	0.000	NO
393	<i>USP33</i>	-0.797	0.002	0.032	-2.450	0.000	0.000	-1.500	0.000	0.000	-1.320	0.000	0.000	NO
394	<i>DANCR</i>	-0.797	0.002	0.032	-4.770	0.000	0.000	-4.340	0.000	0.000	-5.150	0.000	0.000	NO
395	<i>SKA3</i>	-0.796	0.002	0.032	-1.830	0.000	0.000	-5.210	0.000	0.000	-1.920	0.000	0.000	NO
396	<i>RGS14</i>	-0.794	0.002	0.032	-1.590	0.000	0.000	-14.300	0.000	0.000	-3.890	0.000	0.000	NO
397	<i>BNIP2</i>	-0.792	0.002	0.032	-1.440	0.000	0.000	-0.736	0.041	0.041	-3.710	0.000	0.000	NO
398	<i>ZSWIM1</i>	-0.792	0.002	0.032	-1.680	0.000	0.000	-2.170	0.000	0.000	-1.510	0.000	0.000	NO
399	<i>PCMTD1</i>	-0.789	0.002	0.032	-1.950	0.000	0.000	-1.880	0.000	0.000	-1.790	0.000	0.000	NO
400	<i>LGALS8</i>	-0.787	0.002	0.032	-4.110	0.000	0.000	-6.410	0.000	0.000	-2.920	0.000	0.000	NO
401	<i>PSMD1</i>	-0.787	0.002	0.032	-3.920	0.000	0.000	-1.400	0.029	0.029	-2.470	0.000	0.000	NO
402	<i>NCR3LG1</i>	-0.786	0.002	0.032	-1.790	0.000	0.000	-3.370	0.000	0.000	-4.550	0.000	0.000	NO
403	<i>MRPL50</i>	-0.786	0.002	0.032	-1.310	0.000	0.000	-4.440	0.000	0.000	-2.740	0.000	0.000	NO
404	<i>ELL</i>	-0.785	0.002	0.032	-1.480	0.000	0.000	-2.670	0.000	0.000	-1.010	0.029	0.029	NO
405	<i>ZNF667-AS1</i>	-0.784	0.002	0.032	-3.440	0.000	0.000	-9.250	0.000	0.000	-1.920	0.000	0.000	NO
406	<i>ST6GALNAC4</i>	-0.783	0.002	0.032	-2.070	0.000	0.000	-5.420	0.000	0.000	-0.779	0.041	0.041	NO
407	<i>COQ10A</i>	-0.783	0.002	0.032	-0.934	0.029	0.029	-1.570	0.000	0.000	-0.112	0.041	0.041	NO
408	<i>ASCC2</i>	-0.782	0.002	0.032	-2.140	0.000	0.000	-3.550	0.000	0.000	-0.623	0.041	0.041	NO
409	<i>HSD17B12</i>	-0.781	0.002	0.032	-3.210	0.000	0.000	-8.890	0.000	0.000	-7.270	0.000	0.000	NO
410	<i>GTF2H1</i>	-0.781	0.002	0.032	-1.860	0.000	0.000	-5.620	0.000	0.000	-1.250	0.000	0.000	NO
411	<i>IARS</i>	-0.780	0.002	0.032	-3.090	0.000	0.000	-2.120	0.000	0.000	-2.210	0.000	0.000	NO
412	<i>FBXL17</i>	-0.779	0.002	0.032	-2.620	0.000	0.000	-2.870	0.000	0.000	-2.800	0.000	0.000	NO
413	<i>ETV5</i>	-0.779	0.002	0.032	-4.270	0.000	0.000	0.686	0.041	0.041	-6.400	0.000	0.000	NO
414	<i>CSNK1G3</i>	-0.779	0.002	0.032	-0.589	0.041	0.041	-0.651	0.041	0.041	-1.700	0.000	0.000	NO
415	<i>ZAK</i>	-0.779	0.002	0.032	-1.260	0.000	0.000	-0.565	0.041	0.041	-0.894	0.041	0.041	NO
416	<i>C17orf80</i>	-0.777	0.002	0.032	-1.660	0.000	0.000	-2.370	0.000	0.000	-0.817	0.029	0.029	NO
417	<i>MIR425</i>	-0.777	0.002	0.032	-0.500	0.000	0.000	-0.500	0.000	0.000	-1.500	0.000	0.000	NO
418	<i>C4orf3</i>	-0.776	0.002	0.032	-5.020	0.000	0.000	-4.680	0.000	0.000	-6.280	0.000	0.000	NO
419	<i>LOC100506746</i>	-0.773	0.002	0.032	-1.200	0.000	0.000	-1.320	0.000	0.000	-1.820	0.000	0.000	NO
420	<i>CDC45</i>	-0.772	0.002	0.032	-0.869	0.041	0.041	-5.320	0.000	0.000	-0.300	0.041	0.041	NO
421	<i>ISCA2</i>	-0.770	0.002	0.032	-4.620	0.000	0.000	-1.790	0.000	0.000	-1.410	0.000	0.000	NO
422	<i>GOSR2</i>	-0.769	0.002	0.032	-2.130	0.000	0.000	-3.680	0.000	0.000	-2.110	0.000	0.000	NO
423	<i>KCTD20</i>	-0.769	0.002	0.032	-1.390	0.000	0.000	-0.867	0.041	0.041	-1.110	0.000	0.000	NO
424	<i>TBCK</i>	-0.768	0.002	0.032	-0.967	0.000	0.000	-2.230	0.000	0.000	-4.030	0.000	0.000	NO
425	<i>PTPN22</i>	-0.768	0.002	0.032	-3.170	0.000	0.000	-9.790	0.000	0.000	-1.970	0.000	0.000	NO
426	<i>ATP11A</i>	-0.768	0.002	0.032	-0.803	0.000	0.000	-2.830	0.000	0.000	-2.690	0.000	0.000	NO
427	<i>MIR23A</i>	-0.767	0.002	0.032	-0.866	0.000	0.000	-0.500	0.000	0.000	-0.813	0.000	0.000	NO
428	<i>RNFT1</i>	-0.763	0.002	0.032	-1.130	0.029	0.029	-1.820	0.000	0.000	-3.270	0.000	0.000	NO
429	<i>OCIA1D</i>	-0.762	0.002	0.032	-2.760	0.000	0.000	-4.080	0.000	0.000	-4.530	0.000	0.000	NO
430	<i>LARS</i>	-0.761	0.002	0.032	-1.980	0.000	0.000	-2.380	0.000	0.000	-5.240	0.000	0.000	NO
431	<i>NEMF</i>	-0.756	0.002	0.032	-3.730	0.000	0.000	-2.730	0.000	0.000	-4.770	0.000	0.000	NO
432	<i>CDC66</i>	-0.756	0.002	0.032	-1.770	0.000	0.000	-1.730	0.000	0.000	-0.891	0.029	0.029	NO
433	<i>MED31</i>	-0.750	0.002	0.032	-1.090	0.029	0.029	-2.620	0.000	0.000	-0.603	0.041	0.041	NO
434	<i>BLM</i>	-0.750	0.002	0.032	-3.150	0.000	0.000	-3.900	0.000	0.000	-1.930	0.000	0.000	NO
435	<i>WDR91</i>	-0.750	0.002	0.032	-2.800	0.000	0.000	-2.370	0.000	0.000	0.418	0.041	0.041	NO
436	<i>LENG9</i>	-0.749	0.002	0.032	-1.000	0.029	0.029	-2.690	0.000	0.000	-0.119	0.041	0.041	NO
437	<i>LOC101927482</i>	-0.749	0.002	0.032	-2.690	0.000	0.000	-4.360	0.000	0.000	-2.180	0.000	0.000	NO
438	<i>RC3H2</i>	-0.748	0.002	0.032	-1.440	0.000	0.000	-2.440	0.000	0.000	-2.770	0.000	0.000	NO
439	<i>TIGD7</i>	-0.745	0.002	0.032	-4.030	0.000	0.000	-5.590	0.000	0.000	-2.300	0.000	0.000	NO
440	<i>TRIAP1</i>	-0.744	0.002	0.032	-1.260	0.000	0.000	-2.930	0.000	0.000	-1.270	0.000	0.000	NO
441	<i>HMMR</i>	-0.744	0.002	0.032	-3.290	0.000	0.000	-0.482	0.041	0.041	-3.700	0.000	0.000	NO
442	<i>PNPLA2</i>	-0.743	0.002	0.032	-4.560	0.000	0.000	-4.770	0.000	0.000	-3.250	0.000	0.000	NO
443	<i>POLE2</i>	-0.743	0.002	0.032	-0.970	0.029	0.029	-8.310	0.000	0.000	-1.160	0.000	0.000	NO
444	<i>APOL1</i>	-0.741	0.002	0.032	-4.860	0.000	0.000	-7.750	0.000	0.000	-0.697	0.041	0.041	NO
445	<i>PRMT9</i>	-0.741	0.002	0.032	-9.140	0.000	0.000	-1.630	0.000	0.000	-2.130	0.000	0.000	NO
446	<i>UPB1</i>	-0.738	0.002	0.032	-3.470	0.000	0.000	-0.669	0.041	0.041	-2.080	0.000	0.000	NO
447	<i>FAM200A</i>	-0.735	0.002	0.032	-1.320	0.000	0.000	-4.230	0.000	0.000	-1.740	0.000	0.000	NO
448	<i>RRM2</i>	-0.733	0.002	0.032	-0.627	0.041	0.041	-5.700	0.000	0.000	-3.580	0.000	0.000	NO
449	<i>AAGAB</i>	-0.732	0.002	0.032	-1.540	0.000	0.000	-1.710	0.000	0.000	-2.540	0.000	0.000	NO
450	<i>IMMP1L</i>	-0.729	0.002	0.032	-1.260	0.000	0.000	-1.190	0.000	0.000	-3.660	0.000	0.000	NO
451	<i>TERC</i>	-0.728	0.002	0.032	-0.860	0.041	0.041	-0.692	0.041	0.041				

Supplementary Table S4

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
1	<i>POLG</i>	3,530	0.002	0.032	4,620	0.029	0.041	4,220	0.029	0.041	3,580	0.029	0.041	YES
2	<i>LRRK70</i>	2,660	0.002	0.032	3,120	0.029	0.041	4,020	0.029	0.041	5,520	0.029	0.041	YES
3	<i>IFTM10</i>	2,460	0.002	0.032	5,020	0.029	0.041	3,080	0.029	0.041	8,630	0.029	0.041	YES
4	<i>RAPGEFL1</i>	2,310	0.002	0.032	3,410	0.029	0.041	2,340	0.029	0.041	3,550	0.029	0.041	YES
5	<i>PCBP2</i>	2,230	0.002	0.032	6,290	0.029	0.041	8,830	0.029	0.041	10,610	0.029	0.041	YES
6	<i>UMC1</i>	2,210	0.002	0.032	3,010	0.029	0.041	4,600	0.029	0.041	7,930	0.029	0.041	YES
7	<i>AVEN</i>	2,200	0.002	0.032	7,780	0.029	0.041	3,550	0.029	0.041	3,350	0.029	0.041	YES
8	<i>MSL1</i>	2,170	0.002	0.032	2,960	0.029	0.041	4,080	0.029	0.041	4,300	0.029	0.041	YES
9	<i>RAD52</i>	2,150	0.002	0.032	5,190	0.029	0.041	8,240	0.029	0.041	4,770	0.029	0.041	YES
10	<i>MRRF</i>	2,060	0.002	0.032	2,810	0.029	0.041	1,390	0.029	0.041	2,110	0.029	0.041	YES
11	<i>LEMD2</i>	2,040	0.002	0.032	1,370	0.029	0.041	5,560	0.029	0.041	3,710	0.029	0.041	YES
12	<i>RPL19</i>	2,020	0.002	0.032	2,760	0.029	0.041	3,360	0.029	0.041	3,370	0.029	0.041	YES
13	<i>NACA</i>	2,000	0.002	0.032	3,990	0.029	0.041	2,890	0.029	0.041	2,760	0.029	0.041	YES
14	<i>GCGX</i>	1,990	0.002	0.032	2,460	0.029	0.041	7,880	0.029	0.041	5,990	0.029	0.041	YES
15	<i>MTG1</i>	1,960	0.002	0.032	2,160	0.029	0.041	3,750	0.029	0.041	7,860	0.029	0.041	YES
16	<i>THUMPD1</i>	1,950	0.002	0.032	3,670	0.029	0.041	6,320	0.029	0.041	2,110	0.029	0.041	YES
17	<i>CLK4</i>	1,940	0.002	0.032	2,660	0.029	0.041	1,450	0.029	0.041	2,750	0.029	0.041	YES
18	<i>CRTC1</i>	1,930	0.002	0.032	2,490	0.029	0.041	1,860	0.029	0.041	2,260	0.029	0.041	YES
19	<i>RPS11</i>	1,920	0.002	0.032	2,760	0.029	0.041	3,140	0.029	0.041	3,340	0.029	0.041	YES
20	<i>MAN2C1</i>	1,880	0.002	0.032	6,210	0.029	0.041	9,120	0.029	0.041	6,610	0.029	0.041	YES
21	<i>BUD13</i>	1,850	0.002	0.032	2,640	0.029	0.041	2,730	0.029	0.041	3,980	0.029	0.041	YES
22	<i>PRRG2</i>	1,810	0.002	0.032	1,540	0.029	0.041	3,480	0.029	0.041	1,670	0.029	0.041	YES
23	<i>MRPL10</i>	1,800	0.002	0.032	2,840	0.029	0.041	5,140	0.029	0.041	2,600	0.029	0.041	YES
24	<i>DRD4</i>	1,800	0.002	0.032	1,430	0.029	0.041	2,140	0.029	0.041	3,330	0.029	0.041	YES
25	<i>FAM132A</i>	1,780	0.002	0.032	5,210	0.029	0.041	6,620	0.029	0.041	4,370	0.029	0.041	YES
26	<i>SNHG6</i>	1,780	0.002	0.032	4,740	0.029	0.041	5,370	0.029	0.041	6,850	0.029	0.041	YES
27	<i>RPL22</i>	1,760	0.002	0.032	3,470	0.029	0.041	2,450	0.029	0.041	4,410	0.029	0.041	YES
28	<i>APOBEC3D</i>	1,740	0.002	0.032	2,710	0.029	0.041	3,470	0.029	0.041	2,400	0.029	0.041	YES
29	<i>DNDH1</i>	1,740	0.002	0.032	2,600	0.029	0.041	12,700	0.029	0.041	1,720	0.029	0.041	YES
30	<i>AURKB</i>	1,710	0.002	0.032	2,310	0.029	0.041	5,480	0.029	0.041	6,010	0.029	0.041	YES
31	<i>FBXL5</i>	1,700	0.002	0.032	5,390	0.029	0.041	10,140	0.029	0.041	4,540	0.029	0.041	YES
32	<i>RHOG</i>	1,690	0.002	0.032	4,130	0.029	0.041	1,120	0.029	0.041	4,300	0.029	0.041	YES
33	<i>LSMEM1</i>	1,690	0.002	0.032	1,150	0.029	0.041	3,090	0.029	0.041	2,620	0.029	0.041	YES
34	<i>TUBB</i>	1,680	0.002	0.032	13,690	0.029	0.041	4,450	0.029	0.041	14,130	0.029	0.041	YES
35	<i>DAK</i>	1,670	0.002	0.032	3,130	0.029	0.041	2,530	0.029	0.041	5,110	0.029	0.041	YES
36	<i>PNN</i>	1,640	0.002	0.032	2,390	0.029	0.041	4,840	0.029	0.041	1,250	0.029	0.041	YES
37	<i>NRDE2</i>	1,640	0.002	0.032	1,380	0.029	0.041	2,570	0.029	0.041	1,990	0.029	0.041	YES
38	<i>AFG3L1P</i>	1,630	0.002	0.032	1,350	0.029	0.041	2,300	0.029	0.041	2,090	0.029	0.041	YES
39	<i>DPP7</i>	1,620	0.002	0.032	2,110	0.029	0.041	2,120	0.029	0.041	6,020	0.029	0.041	YES
40	<i>ZNF335</i>	1,600	0.002	0.032	3,170	0.029	0.041	8,740	0.029	0.041	5,050	0.029	0.041	YES
41	<i>AOC3</i>	1,580	0.002	0.032	3,530	0.029	0.041	5,500	0.029	0.041	1,740	0.029	0.041	YES
42	<i>RPL37</i>	1,580	0.002	0.032	2,030	0.029	0.041	2,460	0.029	0.041	2,360	0.029	0.041	YES
43	<i>YWHAH</i>	1,570	0.002	0.032	3,290	0.029	0.041	2,660	0.029	0.041	7,900	0.029	0.041	YES
44	<i>FBXO42</i>	1,570	0.002	0.032	2,860	0.029	0.041	2,780	0.029	0.041	6,720	0.029	0.041	YES
45	<i>EPB41L4A-AS1</i>	1,560	0.002	0.032	5,450	0.029	0.041	5,040	0.029	0.041	6,080	0.029	0.041	YES
46	<i>RPS2</i>	1,550	0.002	0.032	3,290	0.029	0.041	6,710	0.029	0.041	6,690	0.029	0.041	YES
47	<i>SNRNP48</i>	1,550	0.002	0.032	1,890	0.029	0.041	3,520	0.029	0.041	1,900	0.029	0.041	YES
48	<i>MZT2B</i>	1,550	0.002	0.032	2,040	0.029	0.041	2,330	0.029	0.041	3,340	0.029	0.041	YES
49	<i>SUMO2</i>	1,540	0.002	0.032	4,900	0.029	0.041	5,900	0.029	0.041	2,980	0.029	0.041	YES
50	<i>RPL18A</i>	1,520	0.002	0.032	2,330	0.029	0.041	2,140	0.029	0.041	4,320	0.029	0.041	YES
51	<i>C6orf48</i>	1,520	0.002	0.032	5,660	0.029	0.041	9,390	0.029	0.041	6,450	0.029	0.041	YES
52	<i>PGLS</i>	1,520	0.002	0.032	1,300	0.029	0.041	2,500	0.029	0.041	3,270	0.029	0.041	YES
53	<i>GAS5</i>	1,510	0.002	0.032	4,180	0.029	0.041	4,770	0.029	0.041	6,060	0.029	0.041	YES
54	<i>RPL11</i>	1,500	0.002	0.032	2,990	0.029	0.041	2,790	0.029	0.041	3,540	0.029	0.041	YES
55	<i>BRPF3</i>	1,490	0.002	0.032	0,923	0.041	0.041	4,310	0.029	0.041	7,470	0.029	0.041	NO
56	<i>RPS15A</i>	1,490	0.002	0.032	2,900	0.029	0.041	3,960	0.029	0.041	4,260	0.029	0.041	NO
57	<i>LRRK41</i>	1,480	0.002	0.032	6,430	0.029	0.041	12,090	0.029	0.041	8,200	0.029	0.041	NO
58	<i>LOC653160</i>	1,480	0.002	0.032	1,210	0.029	0.041	2,390	0.029	0.041	1,910	0.029	0.041	NO
59	<i>ZNF837</i>	1,480	0.002	0.032	2,160	0.029	0.041	3,420	0.029	0.041	2,260	0.029	0.041	NO
60	<i>NT5C</i>	1,480	0.002	0.032	2,570	0.029	0.041	2,080	0.029	0.041	5,340	0.029	0.041	NO
61	<i>EIF2B2</i>	1,470	0.002	0.032	3,010	0.029	0.041	5,560	0.029	0.041	5,490	0.029	0.041	NO
62	<i>CREBZF</i>	1,460	0.002	0.032	3,180	0.029	0.041	1,670	0.029	0.041	2,630	0.029	0.041	NO
63	<i>SLC9A3</i>	1,450	0.002	0.032	4,250	0.029	0.041	1,710	0.029	0.041	6,350	0.029	0.041	NO
64	<i>RPL36AL</i>	1,450	0.002	0.032	1,470	0.029	0.041	3,560	0.029	0.041	2,460	0.029	0.041	NO
65	<i>PHYKPL</i>	1,450	0.002	0.032	4,010	0.029	0.041	2,610	0.029	0.041	5,160	0.029	0.041	NO
66	<i>ABHD12</i>	1,450	0.002	0.032	2,060	0.029	0.041	1,710	0.029	0.041	5,830	0.029	0.041	NO
67	<i>LINC00176</i>	1,430	0.002	0.032	2,400	0.029	0.041	3,660	0.029	0.041	4,330	0.029	0.041	NO
68	<i>ANP32B</i>	1,420	0.002	0.032	1,370	0.029	0.041	3,090	0.029	0.041	3,710	0.029	0.041	NO
69	<i>ZNF341</i>	1,420	0.002	0.032	1,410	0.029	0.041	2,150	0.029	0.041	1,160	0.029	0.041	NO
70	<i>AOC2</i>	1,400	0.002	0.032	1,560	0.029	0.041	2,950	0.029	0.041	2,030	0.029	0.041	NO
71														

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
94	<i>GLTSCR2</i>	1,270	0,002	0,032	1,860	0,029	0,041	3,850	0,029	0,041	2,820	0,029	0,041	NO
95	<i>LOC100288152</i>	1,270	0,002	0,032	7,650	0,029	0,041	2,480	0,029	0,041	2,330	0,029	0,041	NO
96	<i>KLF2</i>	1,270	0,002	0,032	0,702	0,041	0,041	21,000	0,029	0,041	21,510	0,029	0,041	NO
97	<i>SELO</i>	1,260	0,002	0,032	2,080	0,029	0,041	1,690	0,029	0,041	2,050	0,029	0,041	NO
98	<i>TAF10</i>	1,260	0,002	0,032	2,360	0,029	0,041	3,300	0,029	0,041	2,860	0,029	0,041	NO
99	<i>OSBPL11</i>	1,260	0,002	0,032	2,510	0,029	0,041	2,690	0,029	0,041	2,530	0,029	0,041	NO
100	<i>RAN</i>	1,250	0,002	0,032	2,590	0,029	0,041	3,580	0,029	0,041	4,970	0,029	0,041	NO
101	<i>C1orf43</i>	1,240	0,002	0,032	4,400	0,029	0,041	2,700	0,029	0,041	3,230	0,029	0,041	NO
102	<i>RPL7A</i>	1,240	0,002	0,032	3,350	0,029	0,041	3,430	0,029	0,041	6,150	0,029	0,041	NO
103	<i>C2orf82</i>	1,240	0,002	0,032	1,810	0,029	0,041	1,380	0,029	0,041	0,904	0,041	0,041	NO
104	<i>LIG3</i>	1,240	0,002	0,032	3,180	0,029	0,041	8,840	0,029	0,041	3,650	0,029	0,041	NO
105	<i>APIP</i>	1,230	0,002	0,032	3,410	0,029	0,041	3,200	0,029	0,041	2,260	0,029	0,041	NO
106	<i>RAB24</i>	1,230	0,002	0,032	1,580	0,029	0,041	0,976	0,041	0,041	2,910	0,029	0,041	NO
107	<i>CTDNEP1</i>	1,220	0,002	0,032	3,800	0,029	0,041	2,100	0,029	0,041	4,830	0,029	0,041	NO
108	<i>PINK1</i>	1,220	0,002	0,032	2,750	0,029	0,041	4,690	0,029	0,041	5,710	0,029	0,041	NO
109	<i>OSER1</i>	1,220	0,002	0,032	1,680	0,029	0,041	4,840	0,029	0,041	1,730	0,029	0,041	NO
110	<i>CCDC43</i>	1,210	0,002	0,032	2,950	0,029	0,041	2,790	0,029	0,041	4,400	0,029	0,041	NO
111	<i>FAM209B</i>	1,210	0,002	0,032	1,210	0,029	0,041	1,600	0,029	0,041	2,190	0,029	0,041	NO
112	<i>COX17</i>	1,210	0,002	0,032	1,350	0,029	0,041	2,050	0,029	0,041	1,280	0,029	0,041	NO
113	<i>RPS19</i>	1,210	0,002	0,032	2,120	0,029	0,041	1,510	0,029	0,041	4,540	0,029	0,041	NO
114	<i>C12orf66</i>	1,200	0,002	0,032	1,660	0,029	0,041	2,670	0,029	0,041	2,400	0,029	0,041	NO
115	<i>NAGLU</i>	1,200	0,002	0,032	2,450	0,029	0,041	4,670	0,029	0,041	12,230	0,029	0,041	NO
116	<i>CLK3</i>	1,190	0,002	0,032	2,400	0,029	0,041	6,000	0,029	0,041	8,620	0,029	0,041	NO
117	<i>SLC25A5</i>	1,190	0,002	0,032	3,520	0,029	0,041	2,040	0,029	0,041	4,890	0,029	0,041	NO
118	<i>LINC00959</i>	1,180	0,002	0,032	1,470	0,029	0,041	1,360	0,029	0,041	0,908	0,041	0,041	NO
119	<i>OSTF1</i>	1,180	0,002	0,032	2,320	0,029	0,041	2,570	0,029	0,041	4,200	0,029	0,041	NO
120	<i>SEC61A2</i>	1,170	0,002	0,032	0,839	0,041	0,041	1,110	0,041	0,041	2,500	0,029	0,041	NO
121	<i>NDUFS8</i>	1,170	0,002	0,032	1,700	0,029	0,041	2,610	0,029	0,041	7,980	0,029	0,041	NO
122	<i>SPRN</i>	1,170	0,002	0,032	1,730	0,029	0,041	1,380	0,029	0,041	1,860	0,029	0,041	NO
123	<i>ZNF76</i>	1,170	0,002	0,032	2,020	0,029	0,041	4,620	0,029	0,041	1,550	0,029	0,041	NO
124	<i>IDUA</i>	1,170	0,002	0,032	3,490	0,029	0,041	3,860	0,029	0,041	4,530	0,029	0,041	NO
125	<i>SEPW1</i>	1,160	0,002	0,032	3,070	0,029	0,041	2,240	0,029	0,041	3,210	0,029	0,041	NO
126	<i>HJURP</i>	1,160	0,002	0,032	3,140	0,029	0,041	5,200	0,029	0,041	0,578	0,041	0,041	NO
127	<i>RPL13</i>	1,160	0,002	0,032	2,540	0,029	0,041	2,090	0,029	0,041	4,590	0,029	0,041	NO
128	<i>ZFYVE19</i>	1,160	0,002	0,032	2,570	0,029	0,041	1,180	0,029	0,041	2,450	0,029	0,041	NO
129	<i>METTL9</i>	1,160	0,002	0,032	6,710	0,029	0,041	8,130	0,029	0,041	7,080	0,029	0,041	NO
130	<i>CCDC150</i>	1,150	0,002	0,032	0,966	0,041	0,041	2,060	0,029	0,041	1,890	0,029	0,041	NO
131	<i>RFX5</i>	1,150	0,002	0,032	2,830	0,029	0,041	13,090	0,029	0,041	6,700	0,029	0,041	NO
132	<i>PTPLA</i>	1,150	0,002	0,032	11,320	0,029	0,041	2,470	0,029	0,041	3,070	0,029	0,041	NO
133	<i>EIF2A</i>	1,150	0,002	0,032	6,650	0,029	0,041	5,620	0,029	0,041	4,090	0,029	0,041	NO
134	<i>BINP1</i>	1,140	0,002	0,032	2,070	0,029	0,041	1,650	0,029	0,041	3,250	0,029	0,041	NO
135	<i>NUDT3</i>	1,140	0,002	0,032	0,715	0,041	0,041	1,130	0,041	0,041	5,110	0,029	0,041	NO
136	<i>NT5M</i>	1,140	0,002	0,032	5,720	0,029	0,041	4,160	0,029	0,041	4,940	0,029	0,041	NO
137	<i>OGFOD3</i>	1,140	0,002	0,032	1,450	0,029	0,041	2,990	0,029	0,041	3,120	0,029	0,041	NO
138	<i>KDM8</i>	1,130	0,002	0,032	3,030	0,029	0,041	4,000	0,029	0,041	3,600	0,029	0,041	NO
139	<i>TUBA1B</i>	1,130	0,002	0,032	2,800	0,029	0,041	1,320	0,041	0,041	10,530	0,029	0,041	NO
140	<i>PGP</i>	1,130	0,002	0,032	1,740	0,029	0,041	1,420	0,029	0,041	5,510	0,029	0,041	NO
141	<i>CMAHP</i>	1,130	0,002	0,032	3,960	0,029	0,041	1,810	0,029	0,041	1,520	0,029	0,041	NO
142	<i>WDR83</i>	1,130	0,002	0,032	1,640	0,029	0,041	0,929	0,041	0,041	1,860	0,029	0,041	NO
143	<i>SPSB2</i>	1,130	0,002	0,032	1,300	0,029	0,041	1,070	0,041	0,041	1,720	0,029	0,041	NO
144	<i>KPNAA2</i>	1,110	0,002	0,032	3,120	0,029	0,041	4,740	0,029	0,041	1,720	0,029	0,041	NO
145	<i>HINT1</i>	1,110	0,002	0,032	1,430	0,029	0,041	0,943	0,041	0,041	2,800	0,029	0,041	NO
146	<i>IGBP1</i>	1,110	0,002	0,032	4,580	0,029	0,041	1,900	0,029	0,041	1,190	0,029	0,041	NO
147	<i>SMG1P7</i>	1,110	0,002	0,032	1,900	0,029	0,041	1,170	0,029	0,041	1,400	0,029	0,041	NO
148	<i>LITAF</i>	1,110	0,002	0,032	1,980	0,029	0,041	4,970	0,029	0,041	6,390	0,029	0,041	NO
149	<i>THAP3</i>	1,110	0,002	0,032	2,710	0,029	0,041	2,020	0,029	0,041	2,920	0,029	0,041	NO
150	<i>CCDC127</i>	1,100	0,002	0,032	4,760	0,029	0,041	2,960	0,029	0,041	0,747	0,041	0,041	NO
151	<i>TROAP</i>	1,100	0,002	0,032	1,630	0,029	0,041	4,900	0,029	0,041	2,490	0,029	0,041	NO
152	<i>LOC150776</i>	1,090	0,002	0,032	2,170	0,029	0,041	2,610	0,029	0,041	3,110	0,029	0,041	NO
153	<i>ZRANB2</i>	1,070	0,002	0,032	1,880	0,029	0,041	7,360	0,029	0,041	0,510	0,041	0,041	NO
154	<i>TCEB2</i>	1,070	0,002	0,032	1,410	0,029	0,041	0,510	0,041	0,041	3,610	0,029	0,041	NO
155	<i>KPNAA6</i>	1,070	0,002	0,032	1,520	0,029	0,041	2,450	0,029	0,041	2,810	0,029	0,041	NO
156	<i>IRFBP1</i>	1,060	0,002	0,032	3,860	0,029	0,041	4,840	0,029	0,041	3,070	0,029	0,041	NO
157	<i>C17orf70</i>	1,060	0,002	0,032	1,020	0,029	0,041	2,610	0,029	0,041	7,350	0,029	0,041	NO
158	<i>TESK2</i>	1,060	0,002	0,032	1,800	0,029	0,041	4,610	0,029	0,041	2,300	0,029	0,041	NO
159	<i>KDELR1</i>	1,060	0,002	0,032	3,360	0,029	0,041	2,760	0,029	0,041	3,160	0,029	0,041	NO
160	<i>C1orf123</i>	1,060	0,002	0,032	2,800	0,029	0,041	4,170	0,029	0,041	3,810	0,029	0,041	NO
161	<i>PRSS53</i>	1,050	0,002	0,032	0,793	0,041	0,041	2,000	0,029	0,041	1,490	0,029	0,041	NO
162	<i>SNORD18C</i>	1,050	0,002	0,032	2,580	0,029	0,041	2,510	0,029	0,041	0,701	0,041	0,041	NO
163	<i>SPAG7</i>	1,050	0,002	0,032	4,760	0,029	0,041	4,220	0,029	0,041</td				

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
190	<i>TMEM159</i>	0.980	0.002	0.032	1,360	0.029	0.041	2,590	0.029	0.041	2,230	0.029	0.041	NO
191	<i>PATL1</i>	0.980	0.002	0.032	0,510	0.041	0.041	1,900	0.029	0.041	3,270	0.029	0.041	NO
192	<i>RNF169</i>	0.979	0.002	0.032	0,885	0.041	0.041	4,810	0.029	0.041	2,320	0.029	0.041	NO
193	<i>TLK2</i>	0.975	0.002	0.032	2,220	0.029	0.041	3,740	0.029	0.041	3,530	0.029	0.041	NO
194	<i>ZNF18</i>	0.975	0.002	0.032	1,570	0.029	0.041	7,470	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	NO
195	<i>SUGP2</i>	0.971	0.002	0.032	2,590	0.029	0.041	2,300	0.029	0.041	2,700	0.029	0.041	NO
196	<i>C10orf12</i>	0.962	0.002	0.032	0,768	0.041	0.041	1,920	0.029	0.041	1,910	0.029	0.041	NO
197	<i>MZT2A</i>	0.961	0.002	0.032	1,900	0.029	0.041	2,200	0.029	0.041	2,670	0.029	0.041	NO
198	<i>VPS28</i>	0.957	0.002	0.032	4,400	0.029	0.041	4,050	0.029	0.041	4,230	0.029	0.041	NO
199	<i>AP5S1</i>	0.952	0.002	0.032	2,570	0.029	0.041	2,680	0.029	0.041	2,080	0.029	0.041	NO
200	<i>VCPKMT</i>	0.951	0.002	0.032	2,530	0.029	0.041	1,810	0.029	0.041	1,190	0.029	0.041	NO
201	<i>UQCRB</i>	0.950	0.002	0.032	4,080	0.029	0.041	4,180	0.029	0.041	5,270	0.029	0.041	NO
202	<i>PARP2</i>	0.950	0.002	0.032	2,770	0.029	0.041	1,350	0.029	0.041	3,720	0.029	0.041	NO
203	<i>MYL12B</i>	0.948	0.002	0.032	1,700	0.029	0.041	2,220	0.029	0.041	1,190	0.029	0.041	NO
204	<i>UQCRC2</i>	0.947	0.002	0.032	3,130	0.029	0.041	4,920	0.029	0.041	1,320	0.029	0.041	NO
205	<i>EXT2</i>	0.947	0.002	0.032	1,790	0.029	0.041	3,260	0.029	0.041	3,710	0.029	0.041	NO
206	<i>RPL7</i>	0.946	0.002	0.032	2,990	0.029	0.041	6,080	0.029	0.041	1,970	0.029	0.041	NO
207	<i>TOM1</i>	0.945	0.002	0.032	1,510	0.029	0.041	2,880	0.029	0.041	1,400	0.029	0.041	NO
208	<i>USP22</i>	0.941	0.002	0.032	3,080	0.029	0.041	4,070	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	NO
209	<i>ARIH1</i>	0.938	0.002	0.032	1,240	0.029	0.041	10,240	0.029	0.041	1,690	0.029	0.041	NO
210	<i>MRPL45</i>	0.936	0.002	0.032	2,310	0.029	0.041	1,500	0.029	0.041	2,800	0.029	0.041	NO
211	<i>C14orf1</i>	0.936	0.002	0.032	2,520	0.029	0.041	1,970	0.029	0.041	1,020	0.029	0.041	NO
212	<i>MZF1</i>	0.934	0.002	0.032	1,480	0.029	0.041	4,510	0.029	0.041	1,810	0.029	0.041	NO
213	<i>ZFAS1</i>	0.934	0.002	0.032	5,550	0.029	0.041	6,610	0.029	0.041	5,980	0.029	0.041	NO
214	<i>AKAP17A</i>	0.933	0.002	0.032	0,820	0.041	0.041	4,890	0.029	0.041	2,580	0.029	0.041	NO
215	<i>RPL6</i>	0.932	0.002	0.032	2,450	0.029	0.041	2,140	0.029	0.041	2,380	0.029	0.041	NO
216	<i>PEL1</i>	0.927	0.002	0.032	0,510	0.041	0.041	6,410	0.029	0.041	2,600	0.029	0.041	NO
217	<i>RPS10</i>	0.926	0.002	0.032	1,140	0.029	0.041	1,460	0.029	0.041	1,950	0.029	0.041	NO
218	<i>FAM134A</i>	0.926	0.002	0.032	1,700	0.029	0.041	5,200	0.029	0.041	2,960	0.029	0.041	NO
219	<i>SMYD2</i>	0.925	0.002	0.032	2,520	0.029	0.041	1,100	0.041	0.041	3,070	0.029	0.041	NO
220	<i>RPS3A</i>	0.923	0.002	0.032	2,360	0.029	0.041	2,310	0.029	0.041	2,450	0.029	0.041	NO
221	<i>MLF2</i>	0.923	0.002	0.032	0,734	0.041	0.041	0,559	0.041	0.041	3,110	0.029	0.041	NO
222	<i>HEBP2</i>	0.921	0.002	0.032	0,944	0.041	0.041	1,170	0.041	0.041	2,810	0.029	0.041	NO
223	<i>SNORD38B</i>	0.918	0.002	0.032	4,420	0.029	0.041	1,070	0.041	0.041	2,110	0.029	0.041	NO
224	<i>NDUFS4</i>	0.916	0.002	0.032	2,480	0.029	0.041	4,250	0.029	0.041	3,280	0.029	0.041	NO
225	<i>HECA</i>	0.915	0.002	0.032	2,250	0.029	0.041	5,830	0.029	0.041	7,640	0.029	0.041	NO
226	<i>BTN3A1</i>	0.913	0.002	0.032	3,270	0.029	0.041	4,710	0.029	0.041	2,650	0.029	0.041	NO
227	<i>TIMELESS</i>	0.908	0.002	0.032	2,600	0.029	0.041	7,250	0.029	0.041	4,640	0.029	0.041	NO
228	<i>TMEM143</i>	0.907	0.002	0.032	1,990	0.029	0.041	3,550	0.029	0.041	3,070	0.029	0.041	NO
229	<i>ICMT</i>	0.904	0.002	0.032	3,380	0.029	0.041	4,630	0.029	0.041	6,850	0.029	0.041	NO
230	<i>DCCD2B</i>	0.903	0.002	0.032	1,500	0.029	0.041	1,110	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	NO
231	<i>GSG2</i>	0.903	0.002	0.032	2,900	0.029	0.041	1,180	0.029	0.041	1,190	0.029	0.041	NO
232	<i>RPS21</i>	0.902	0.002	0.032	2,180	0.029	0.041	1,710	0.029	0.041	4,020	0.029	0.041	NO
233	<i>MSMO1</i>	0.896	0.002	0.032	1,000	0.041	0.041	4,650	0.029	0.041	2,210	0.029	0.041	NO
234	<i>RPS9</i>	0.895	0.002	0.032	2,440	0.029	0.041	2,720	0.029	0.041	5,640	0.029	0.041	NO
235	<i>SNORD26</i>	0.895	0.002	0.032	1,970	0.029	0.041	0,551	0.041	0.041	0,970	0.041	0.041	NO
236	<i>CORO6</i>	0.895	0.002	0.032	2,810	0.029	0.041	1,600	0.029	0.041	5,160	0.029	0.041	NO
237	<i>RPL30</i>	0.892	0.002	0.032	3,180	0.029	0.041	2,600	0.029	0.041	5,590	0.029	0.041	NO
238	<i>RPL17</i>	0.889	0.002	0.032	2,470	0.029	0.041	3,650	0.029	0.041	1,410	0.029	0.041	NO
239	<i>LBH</i>	0.889	0.002	0.032	2,050	0.029	0.041	6,890	0.029	0.041	0,686	0.041	0.041	NO
240	<i>TMEM126B</i>	0.883	0.002	0.032	3,080	0.029	0.041	0,839	0.041	0.041	1,030	0.029	0.041	NO
241	<i>NPPA</i>	0.878	0.002	0.032	0,731	0.041	0.041	1,740	0.029	0.041	1,500	0.029	0.041	NO
242	<i>FAM178A</i>	0.878	0.002	0.032	1,680	0.029	0.041	2,560	0.029	0.041	2,140	0.029	0.041	NO
243	<i>KIAA0430</i>	0.877	0.002	0.032	1,110	0.041	0.041	6,710	0.029	0.041	1,310	0.029	0.041	NO
244	<i>RAP2C</i>	0.876	0.002	0.032	1,500	0.029	0.041	2,370	0.029	0.041	2,630	0.029	0.041	NO
245	<i>ANKMY1</i>	0.875	0.002	0.032	2,400	0.029	0.041	1,650	0.029	0.041	0,755	0.041	0.041	NO
246	<i>FBXW2</i>	0.873	0.002	0.032	1,280	0.029	0.041	5,790	0.029	0.041	5,760	0.029	0.041	NO
247	<i>SNORD55</i>	0.872	0.002	0.032	1,410	0.029	0.041	0,612	0.041	0.041	2,030	0.029	0.041	NO
248	<i>SGPL1</i>	0.872	0.002	0.032	0,510	0.041	0.041	2,760	0.029	0.041	1,540	0.029	0.041	NO
249	<i>C16orf86</i>	0.871	0.002	0.032	0,727	0.041	0.041	2,070	0.029	0.041	3,120	0.029	0.041	NO
250	<i>SERPINE2</i>	0.869	0.002	0.032	4,840	0.029	0.041	4,250	0.029	0.041	5,390	0.029	0.041	NO
251	<i>LIME1</i>	0.869	0.002	0.032	1,430	0.029	0.041	0,736	0.041	0.041	2,370	0.029	0.041	NO
252	<i>SNORD10A</i>	0.868	0.002	0.032	0,678	0.041	0.041	0,633	0.041	0.041	1,560	0.029	0.041	NO
253	<i>EIF3F</i>	0.866	0.002	0.032	3,480	0.029	0.041	3,140	0.029	0.041	6,710	0.029	0.041	NO
254	<i>CUL7</i>	0.862	0.002	0.032	11,210	0.029	0.041	23,910	0.029	0.041	8,820	0.029	0.041	NO
255	<i>CLCN6</i>	0.862	0.002	0.032	1,700	0.029	0.041	7,470	0.029	0.041	3,430	0.029	0.041	NO
256	<i>THAP4</i>	0.861	0.002	0.032	1,120	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	1,580	0.029	0.041	NO
257	<i>H6PD</i>	0.858	0.002	0.032	1,630	0.029	0.041	2,590	0.029	0.041	2,140	0.029	0.041	NO
258	<i>PARP6</i>	0.856	0.002	0.032	1,070	0.029	0.041	0,712	0.041	0.041	1,600	0.029	0.041	NO
259	<i>APBA3</i>	0.855	0.002	0.032	1,140	0.029	0.041	2,190	0.029	0.041				

Rank	Gene	All three cell lines			TF-1			UT-7			UCSD-AML1			Core Signature Stringent
		SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	SNR	P value	FDR	
286	<i>LOC645513</i>	0.809	0.002	0.032	2,500	0.029	0.041	2,730	0.029	0.041	2,970	0.029	0.041	NO
287	<i>RRP7B</i>	0.807	0.002	0.032	2,070	0.029	0.041	1,190	0.041	0.041	3,360	0.029	0.041	NO
288	<i>EXOSC1</i>	0.806	0.002	0.032	0.510	0.041	0.041	2,470	0.029	0.041	1,290	0.029	0.041	NO
289	<i>TMEM141</i>	0.804	0.002	0.032	1,200	0.029	0.041	1,740	0.029	0.041	2,810	0.029	0.041	NO
290	<i>ERLIN1</i>	0.803	0.002	0.032	0.582	0.041	0.041	1,220	0.029	0.041	1,090	0.041	0.041	NO
291	<i>LOC730183</i>	0.803	0.002	0.032	3,160	0.029	0.041	2,770	0.029	0.041	1,690	0.029	0.041	NO
292	<i>NFYA</i>	0.802	0.002	0.032	4,120	0.029	0.041	5,510	0.029	0.041	3,730	0.029	0.041	NO
293	<i>NBN</i>	0.801	0.002	0.032	1,610	0.029	0.041	2,390	0.029	0.041	1,190	0.041	0.041	NO
294	<i>ZSWIM8</i>	0.800	0.002	0.032	0.644	0.041	0.041	8,590	0.029	0.041	6,400	0.029	0.041	NO
295	<i>CWF19L2</i>	0.800	0.002	0.032	2,010	0.029	0.041	2,070	0.029	0.041	0.510	0.041	0.041	NO
296	<i>COPB1</i>	0.796	0.002	0.032	4,100	0.029	0.041	4,130	0.029	0.041	0.510	0.000	0.000	NO
297	<i>SNORD102</i>	0.796	0.002	0.032	1,360	0.029	0.041	1,040	0.029	0.041	0.510	0.041	0.041	NO
298	<i>CA14</i>	0.795	0.002	0.032	0,670	0.041	0.041	1,270	0.029	0.041	1,910	0.029	0.041	NO
299	<i>MIR25</i>	0.795	0.002	0.032	1,210	0.029	0.041	1,490	0.029	0.041	1,670	0.029	0.041	NO
300	<i>KIFC1</i>	0.794	0.002	0.032	4,000	0.029	0.041	4,960	0.029	0.041	2,000	0.029	0.041	NO
301	<i>IGHMBP2</i>	0.793	0.002	0.032	1,660	0.029	0.041	5,520	0.029	0.041	2,390	0.029	0.041	NO
302	<i>CETN2</i>	0.791	0.002	0.032	2,010	0.029	0.041	1,500	0.029	0.041	1,560	0.029	0.041	NO
303	<i>RRP8</i>	0.788	0.002	0.032	1,640	0.029	0.041	0,679	0.041	0.041	2,460	0.029	0.041	NO
304	<i>ACBD3</i>	0.787	0.002	0.032	2,400	0.029	0.041	9,980	0.029	0.041	0.510	0.041	0.041	NO
305	<i>CSNK2A2</i>	0.783	0.002	0.032	1,520	0.029	0.041	2,710	0.029	0.041	1,520	0.029	0.041	NO
306	<i>MED11</i>	0.781	0.002	0.032	0.985	0.041	0.041	1,680	0.029	0.041	1,380	0.029	0.041	NO
307	<i>SNORA8</i>	0.781	0.002	0.032	1,840	0.029	0.041	1,880	0.029	0.041	1,440	0.029	0.041	NO
308	<i>MITD1</i>	0.780	0.002	0.032	3,810	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	1,280	0.029	0.041	NO
309	<i>GIN1</i>	0.780	0.002	0.032	1,240	0.029	0.041	1,560	0.029	0.041	0.510	0.041	0.041	NO
310	<i>ZBTB49</i>	0.778	0.002	0.032	0,683	0.041	0.041	1,300	0.029	0.041	1,130	0.029	0.041	NO
311	<i>MRPL12</i>	0.778	0.002	0.032	1,030	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	4,060	0.029	0.041	NO
312	<i>ANKRD26</i>	0.776	0.002	0.032	0.510	0.041	0.041	1,990	0.029	0.041	1,690	0.029	0.041	NO
313	<i>CAMLG</i>	0.776	0.002	0.032	3,060	0.029	0.041	2,400	0.029	0.041	5,410	0.029	0.041	NO
314	<i>NUCKS1</i>	0.776	0.002	0.032	3,110	0.029	0.041	4,270	0.029	0.041	1,090	0.041	0.041	NO
315	<i>AIP</i>	0.775	0.002	0.032	1,410	0.029	0.041	1,560	0.029	0.041	2,230	0.029	0.041	NO
316	<i>SDHAP1</i>	0.774	0.002	0.032	1,760	0.029	0.041	4,220	0.029	0.041	2,470	0.029	0.041	NO
317	<i>CRAT</i>	0.774	0.002	0.032	0.510	0.041	0.041	3,100	0.029	0.041	1,260	0.029	0.041	NO
318	<i>YIPF3</i>	0.771	0.002	0.032	1,280	0.029	0.041	1,080	0.041	0.041	2,290	0.029	0.041	NO
319	<i>SNORD68</i>	0.770	0.002	0.032	1,470	0.029	0.041	0,868	0.041	0.041	0,957	0.041	0.041	NO
320	<i>SARS2</i>	0.769	0.002	0.032	2,960	0.029	0.041	3,150	0.029	0.041	5,550	0.029	0.041	NO
321	<i>MAGED2</i>	0.767	0.002	0.032	7,060	0.029	0.041	6,340	0.029	0.041	1,860	0.029	0.041	NO
322	<i>PRKRA</i>	0.766	0.002	0.032	7,940	0.029	0.041	7,320	0.029	0.041	4,920	0.029	0.041	NO
323	<i>HECTD3</i>	0.765	0.002	0.032	9,340	0.029	0.041	4,030	0.029	0.041	5,870	0.029	0.041	NO
324	<i>CPNE1</i>	0.765	0.002	0.032	9,750	0.029	0.041	10,170	0.029	0.041	8,870	0.029	0.041	NO
325	<i>PPP2R3B</i>	0.764	0.002	0.032	3,860	0.029	0.041	2,720	0.029	0.041	4,080	0.029	0.041	NO
326	<i>ABT1</i>	0.763	0.002	0.032	2,460	0.029	0.041	1,790	0.029	0.041	2,590	0.029	0.041	NO
327	<i>RPL13AP3</i>	0.762	0.002	0.032	1,360	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	0,880	0.041	0.041	NO
328	<i>S100A4</i>	0.761	0.002	0.032	0,526	0.041	0.041	0,510	0.041	0.041	4,880	0.029	0.041	NO
329	<i>RN3P2</i>	0.759	0.002	0.032	0,998	0.029	0.041	1,060	0.029	0.041	0,908	0.041	0.041	NO
330	<i>S1PR1</i>	0.757	0.002	0.032	0,788	0.041	0.041	2,500	0.029	0.041	2,490	0.029	0.041	NO
331	<i>NR4A2</i>	0.756	0.002	0.032	2,860	0.029	0.041	8,600	0.029	0.041	3,910	0.029	0.041	NO
332	<i>SEC13</i>	0.752	0.002	0.032	4,720	0.029	0.041	4,660	0.029	0.041	7,810	0.029	0.041	NO
333	<i>GLI4</i>	0.751	0.002	0.032	1,520	0.029	0.041	3,540	0.029	0.041	0,847	0.041	0.041	NO
334	<i>GUSBP2</i>	0.750	0.002	0.032	0,659	0.041	0.041	1,580	0.029	0.041	0,940	0.041	0.041	NO
335	<i>RNPep</i>	0.748	0.002	0.032	1,020	0.041	0.041	3,910	0.029	0.041	6,250	0.029	0.041	NO
336	<i>RPL35A</i>	0.748	0.002	0.032	2,290	0.029	0.041	2,660	0.029	0.041	4,270	0.029	0.041	NO
337	<i>MIR6832</i>	0.745	0.002	0.032	0,510	0.041	0.041	1,010	0.041	0.041	1,900	0.029	0.041	NO
338	<i>SPRED3</i>	0.745	0.002	0.032	2,300	0.029	0.041	3,270	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	NO
339	<i>MVB12A</i>	0.744	0.002	0.032	3,120	0.029	0.041	4,290	0.029	0.041	2,260	0.029	0.041	NO
340	<i>CCDC65</i>	0.742	0.002	0.032	0,772	0.041	0.041	1,660	0.029	0.041	0,732	0.041	0.041	NO
341	<i>SNORD31</i>	0.742	0.002	0.032	1,230	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	1,650	0.029	0.041	NO
342	<i>NKAP</i>	0.740	0.002	0.032	1,040	0.029	0.041	2,240	0.029	0.041	0,941	0.041	0.041	NO
343	<i>MRPL28</i>	0.738	0.002	0.032	0,837	0.041	0.041	0,863	0.041	0.041	1,220	0.041	0.041	NO
344	<i>THAP7</i>	0.738	0.002	0.032	2,620	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	1,430	0.029	0.041	NO
345	<i>RWDD1</i>	0.730	0.002	0.032	4,080	0.029	0.041	6,970	0.029	0.041	1,630	0.029	0.041	NO
346	<i>DPAGT1</i>	0.728	0.002	0.032	1,960	0.029	0.041	2,200	0.029	0.041	6,120	0.029	0.041	NO
347	<i>RPP9</i>	0.727	0.002	0.032	0,519	0.041	0.041	0,578	0.041	0.041	1,700	0.029	0.041	NO
348	<i>ZNF143</i>	0.722	0.002	0.032	0,510	0.041	0.041	0,951	0.029	0.041	1,260	0.041	0.041	NO
349	<i>ARHGEF40</i>	0.717	0.002	0.032	1,630	0.029	0.041	0,510	0.041	0.041	2,480	0.029	0.041	NO
350	<i>RAB28</i>	0.716	0.002	0.032	3,230	0.029	0.041	0,955	0.041	0.041	1,760	0.029	0.041	NO
351	<i>NUDT1</i>	0.715	0.002	0.032	1,670	0.029	0.041	1,130	0.029	0.041	1,550	0.029	0.041	NO
352	<i>MIR7-1</i>	0.712	0.002	0.032	0,510	0.041	0.041	1,730	0.029	0.041	1,260	0.029	0.041	NO
353	<i>HRS12</i>	0.712	0.002	0.032	2,340	0.029	0.041	1,050	0.041	0.041	0,748	0.029	0.041	NO
354	<i>SMARCAL1</i>	0.707	0.002	0.032	1,540	0.029	0.041	2,700	0.029	0.041	1,040	0.041	0.041	NO
355	<i>STK25</i>	0.701	0.002	0.032	0,510	0.041	0.041	1,090	0.029	0.04				

Supplementary Table S5

#	Functional Group	Geneset ID	NES	Adjusted P value	Ccr vs ctl
1	Cell Cycle	BIOCARTA_CELLCYCLE_PATHWAY	-1,530	0,012	DOWN
2		REGULATION_OF_MITOSIS	-1,696	0,014	DOWN
3		WHITFIELD_CELL_CYCLE_G2_M	-1,716	0,014	DOWN
4		CELL_CYCLE_CHECKPOINT_GO_0000075	-1,490	0,021	DOWN
5		CHANG_CYCLING_GENES	-1,756	0,022	DOWN
6		PUJANA_CHEK2_PCC_NETWORK	-1,747	0,033	DOWN
7		REGULATION_OF_CELL_CYCLE	-1,305	0,036	DOWN
8		CELL_CYCLE_GO_0007049	-1,312	0,038	DOWN
9		MITOTIC_CELL_CYCLE_CHECKPOINT	-1,609	0,045	DOWN
10		MITOTIC_CELL_CYCLE	-1,422	0,046	DOWN
11		MITOSIS	-1,506	0,048	DOWN
12		KEGG_CELL_CYCLE	-1,458	0,053	DOWN
13		REACTOME_MITOTIC_G1_G1_S_PHASES	-1,638	0,055	DOWN
14		REACTOME_RNA_POL_III_TRANSCRIPTION_INITIATION_FROM_TYPE_2_PROMOTER	-1,633	0,062	DOWN
15		LAMB_CCND1_TARGETS	-1,432	0,062	DOWN
16		MOLENAAR_TARGETS_OF_CCND1_AND_CDKN4_UP	-1,634	0,020	DOWN
17	Energy Metabolism	KEGG_FRUCTOSE_AND_MANNOSE_METABOLISM	-1,848	0,010	DOWN
18		REACTOME_GLUCOSE_METABOLISM	-1,662	0,024	DOWN
19		REACTOME_GLUCOSE_TRANSPORT	-1,615	0,039	DOWN
20		MOOTHA_GLYCOLYSIS	-1,559	0,026	DOWN
21		GLUCOSE_METABOLIC_PROCESS	-1,554	0,021	DOWN
22		BIOCARTA_MITOCHONDRIA_PATHWAY	-1,536	0,028	DOWN
23		REACTOME_GLYCOLYSIS	-1,521	0,048	DOWN
24	Cell Stemness	PID_MYC_ACTIV_PATHWAY	-1,856	0,001	DOWN
25		IVANOVA_HEMATOPOIESIS_LATE_PROGENITOR	-1,533	0,001	DOWN
26		WEI_MYCN_TARGETS_WITH_E_BOX	-1,979	0,004	DOWN
27		BENPORATH_ES_1	-1,610	0,010	DOWN
28		KIM_MYCN_AMPLIFICATION_TARGETS_UP	-1,415	0,015	DOWN
29		IVANOVA_HEMATOPOIESIS_EARLY_PROGENITOR	-1,507	0,017	DOWN
30		BENPORATH_NANOG_TARGETS	-1,445	0,018	DOWN
31		KEGG_ACUTE_MYELOID_LEUKEMIA	-1,747	0,018	DOWN
32		GAZDA_DIAMOND_BLACKFAN_ANEMIA_PROGENITOR_UP	-1,675	0,023	DOWN
33		BENPORATH_ES_2	-1,494	0,049	DOWN
34		RAMALHO_STEMNESS_UP	-1,638	0,034	DOWN
35		BILD_MYC_ONCOGENIC_SIGNATURE	-1,362	0,032	DOWN
36	Cell Differentiation	DMAP_MONO.VS.HSC	1,623	0,001	UP
37		KRIGE_RESPONSE_TO_TOSEDOSTAT_6HR	1,705	0,012	UP
38		ZUBER_JQ1_DIFFERENTIATION	1,950	0,012	UP
39		DIFFERENTIATION_DOT1L	1,387	0,038	UP
40		STEGMAIER_DIFFERENTIATION_PMA	1,459	0,042	UP
41		STEGMAIER_DIFFERENTIATION_VITD	1,442	0,061	UP
42		DIFFERENTIATION_ZUBER	1,499	0,013	UP
43	Amino Acid Metabolism	KEGG_TYROSINE_METABOLISM	1,459	0,018	UP
44		KEGG_BETA_ALANINE_METABOLISM	1,548	0,022	UP
45		KEGG_GLYCINE_SERINE_AND_THREONINE_METABOLISM	1,746	0,001	UP

Extended Data. Uncropped images from immunoblot experiments presented in main and supplementary figures.

Figure 1F

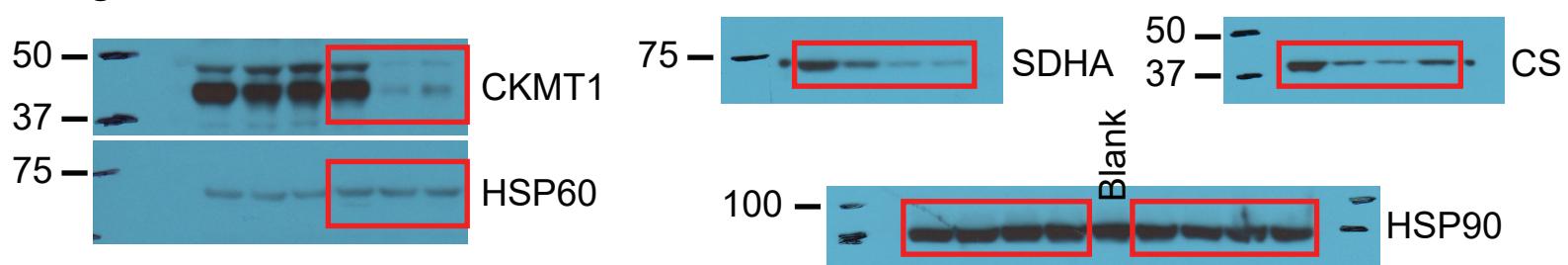


Figure 2A

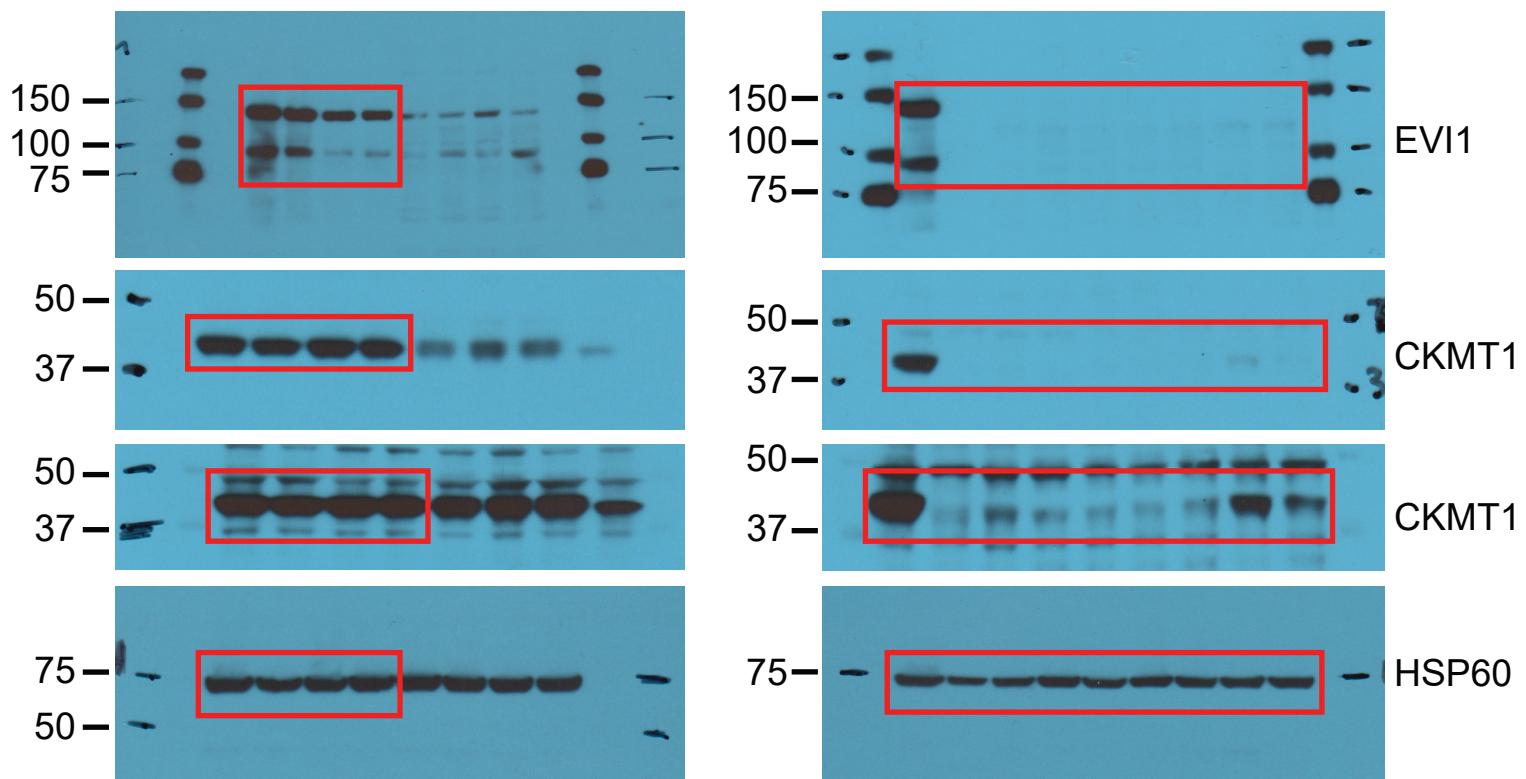
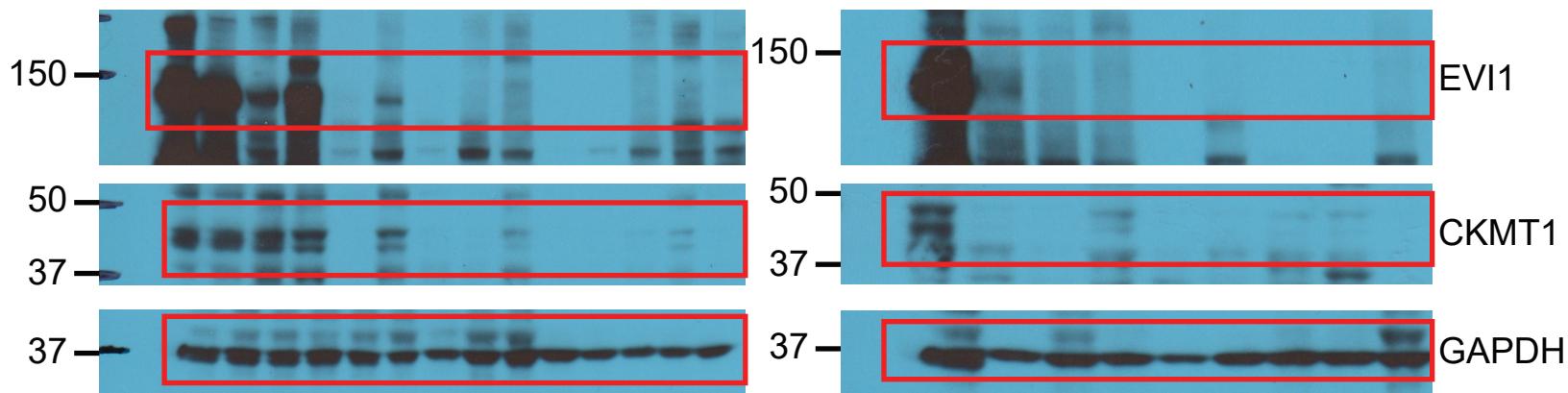


Figure 2F



Extended Data (cont'd)

Figure 3A

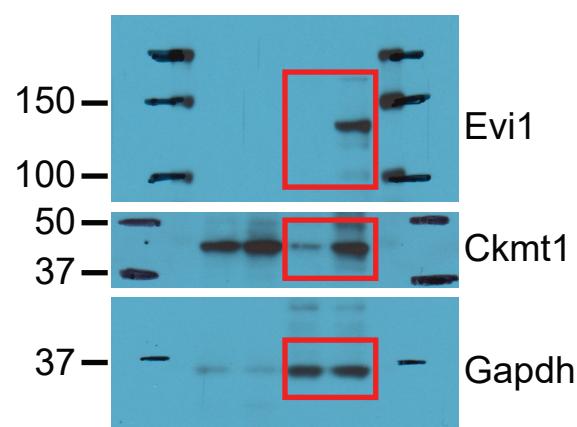


Figure 3G

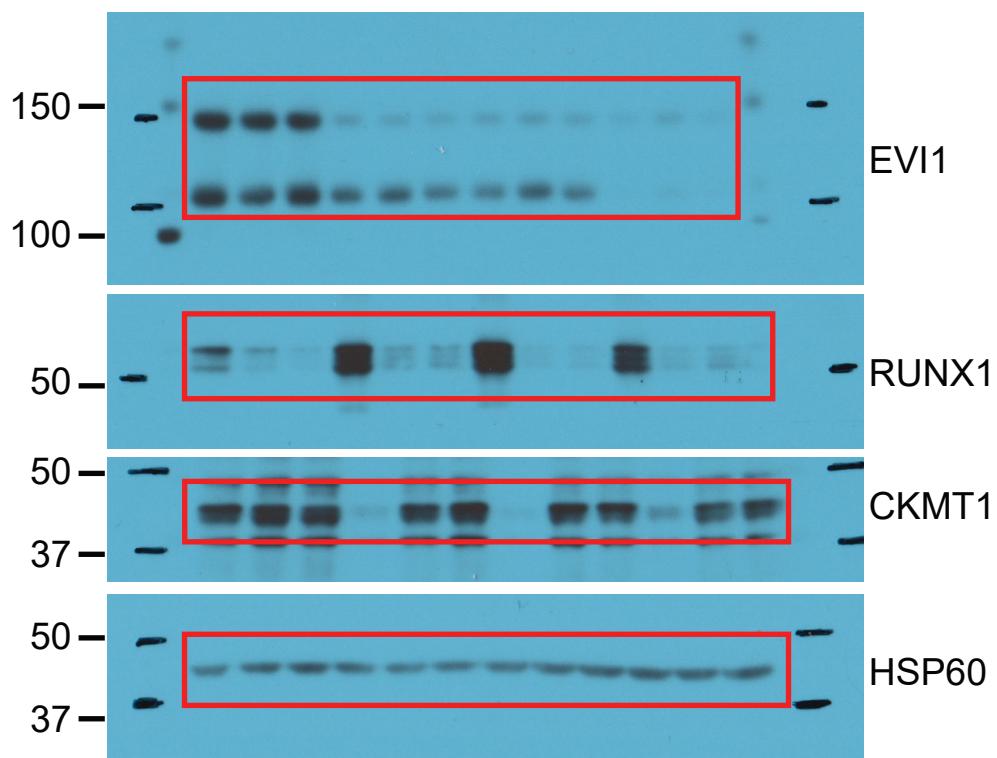


Figure 6A

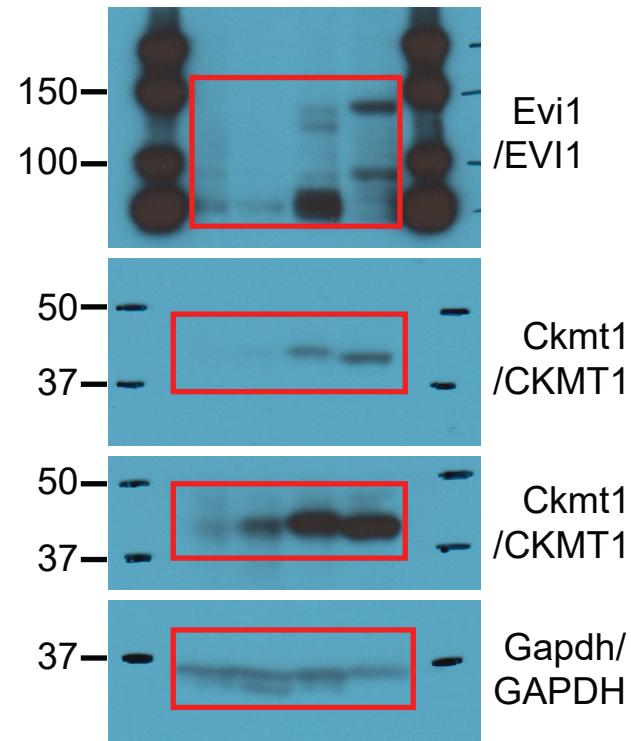
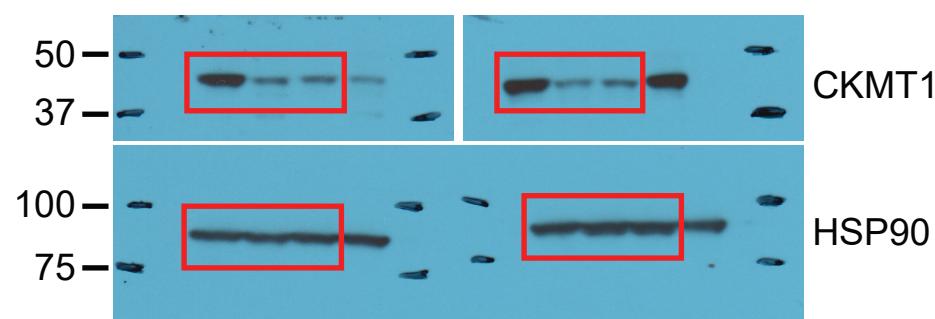


Figure 6C

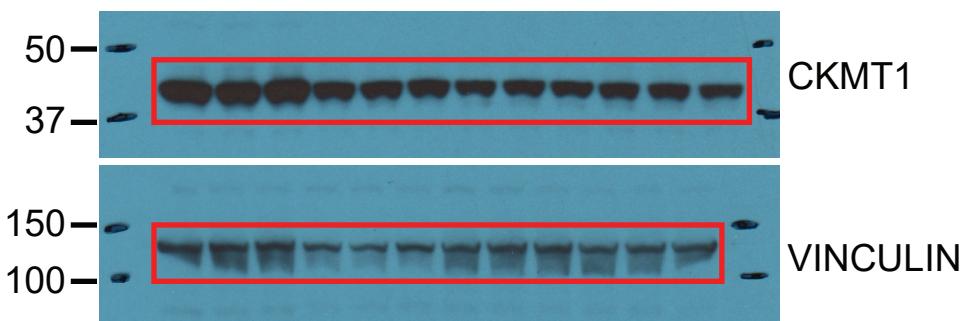


Supplementary Figure S2A

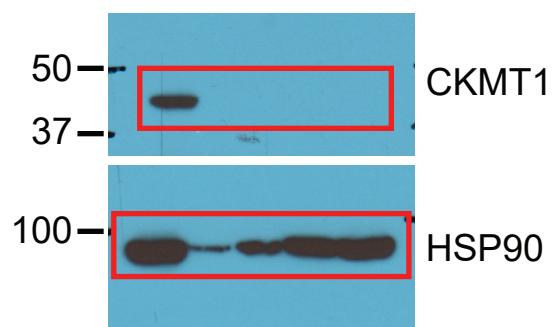


Extended Data (cont'd)

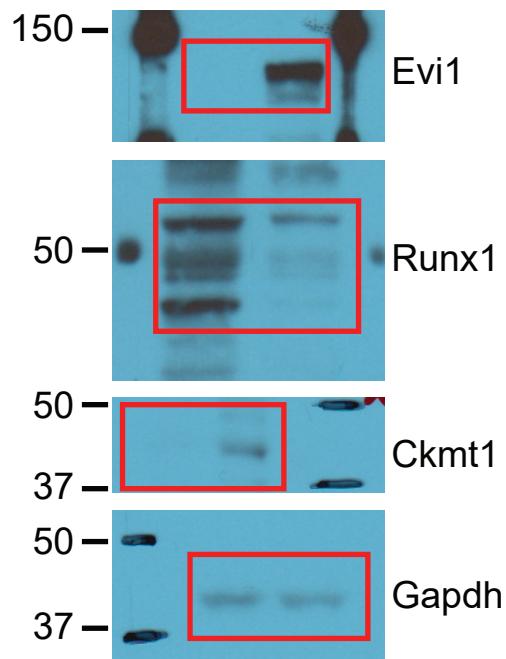
Supplementary Figure S2C



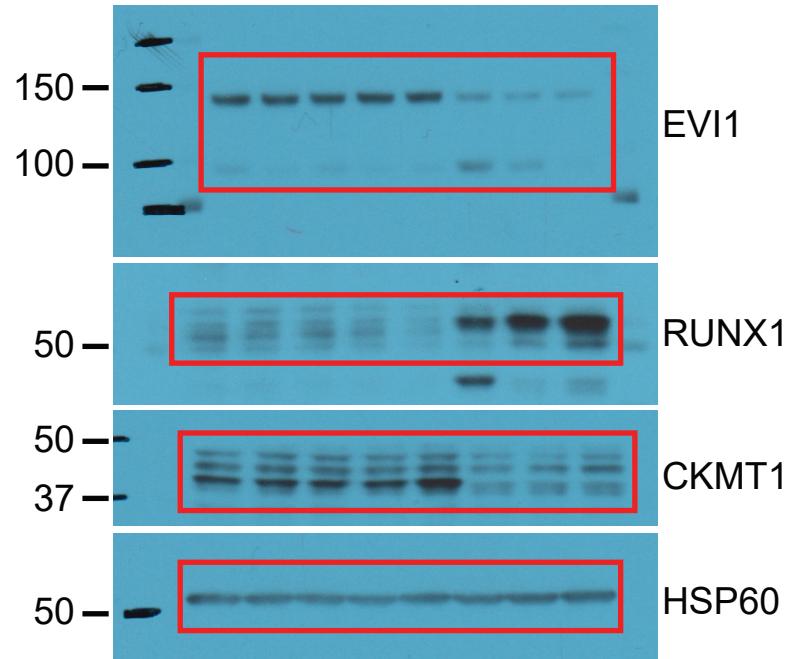
Supplementary Figure S2E



Supplementary Figure S3B



Supplementary Figure S3D



Supplementary S5A

