

Table 3. ^1H , ^{15}N and ^{13}C resonance assignments for *D. radiodurans* apoDR1885 at 298 K, in 100 mM potassium phosphate buffer (pH 7), are listed in ppm, and ^{15}N and HN resonance assignments are also reported at pH 5

Res	N (HN) pH 5.0	N(HN) pH 7.0	CA(HA/QA/HA1/HA2)	CO	CB(HB/QB/HB2/HB3)	Others
A21	125,7 (8,289)	125,5 (8,305)	50,04		16,34	
G22	108,6 (8,288)	108,4 (8,302)	42,44	171,4		
A23	123,7 (8,059)	123,5 (8,039)	49,99 (4,228)		16,70 (1,254)	
Q24	119,4 (8,289)	119,4 (8,317)	52,70		26,96	
A25	123,9 (7,961)	123,7 (7,965)	48,69 (4,761)		17,40	
L26	121,7 (8,316)	121,6 (8,320)	49,67 (4,196)		40,58	(QD1 0,557); CD2 26,41 (QD2 0,708)
P27			59,24 (4,778)	170,5	25,15 (2,248)	CD 48,74 (HD2 3,259; HD3 3,687); CG 25,04 (QG 1,760)
V28	121,7 (7,731)	121,6 (7,732)	56,28 (5,120)	172,6	34,19 (1,497)	CG1 20,75 (QG1 0,651); CG2 21,51 (QG2 0,564)
T29	119,6 (8,958)	119,5 (8,965)	57,69 (4,575)	170,8	67,70 (4,093)	CG2 19,39 (QG2 1,074)
V30	124,0 (8,721)	124,0 (8,733)	57,82 (4,896)	172,2	31,69 (1,891)	CG1 19,84 (QG1 0,878); CG2 18,66 (QG2 1,000)
Q31	125,4 (8,725)	125,3 (8,725)	51,81 (4,741)	173,2	30,52 (1,794; 1,993)	NE2 112 (7,377; 6,744); CG 30,65 (QG 2,245)
G32	110,7 (8,782)	110,7 (8,826)	44,72 (3,829; 3,730)	173,3		
A33	123,4 (8,610)	123,3 (8,634)	49,76 (5,087)	175,6	15,89 (1,171)	
T34	121,2 (9,316)	121,0 (9,334)	58,24 (5,272)	169,7	70,90 (3,937)	CG2 18,86 (QG2 1,096)
V35	123,7 (8,099)	123,4 (8,060)	57,56 (4,385)	172,2	32,25 (1,428)	CG1 20,00 (QG1 0,610); CG2 19,78
A36	129,3 (7,963)	129,2 (8,011)	49,62 (4,414)	174,8	15,59 (1,316)	
A37	127,5 (8,081)	127,2 (8,064)	50,44 (3,843)	174,2	16,24 (1,029)	
V38	113,8 (7,176)	113,6 (7,181)	55,20 (4,759)	171,1	31,00 (2,110)	(QG1 0,959); CG2 14,86 (QG2 0,636)
P39			62,45 (4,246)	174,8	30,10 (1,883; 2,185)	CD 47,91 (HD2 3,502; HD3 3,754); CG 24,68 (QG 1,956)
P40			59,29 (4,184)	171,4	60,37 (2,805; 2,182)	(QG 1,982)
S41	109,3 (7,531)	109,2 (7,545)	56,58 (4,144)	172,9	47,28 (3,726; 3,916)	
I42	125,8 (7,833)	125,7 (7,828)	56,95 (4,174)	171,2	34,39 (1,974)	(QD1 0,709); CG1 24,37 (HG12 1,369; HG13 1,249) CG2 15,13 (QG2 1,085)
R43	123,0 (8,464)	122,8 (8,483)	53,05 (4,230)	171,2	27,87 (1,987; 1,633)	CD 40,13 (QD 3,046); CG 24,39 (QG 1,609)
D44	116,5 (6,954)	116,4 (6,947)	49,36 (5,707)	172,7	42,56 (2,406; 2,591)	
T45	113,0 (8,167)	113,1 (8,151)	56,33 (4,400)	167,5	66,12 (4,009)	CG2 17,32 (QG2 0,994)
A46	126,3 (7,992)	126,4 (7,993)	48,14 (5,153)	171,8	21,71 (1,013)	
A47	118,8 (8,426)	119,2 (8,627)	47,06 (4,907)	171,8	19,78 (0,776)	
Y48	119,8 (8,494)	119,1 (8,453)	51,64 (4,776)	171,7	39,00 (2,981; 3,433)	(QD 6,642); (QE 6,113)
M49	113,0 (8,116)	113,0 (8,185)	54,20 (4,614)	170,6	30,14 (2,786; 1,665)	CG 27,07 (QG 2,191)
T50	116,6 (8,880)	116,4 (8,860)	60,20 (4,908)	171,1	67,47 (3,864)	CG2 18,88 (QG2 1,002)
L51	128,1 (9,040)	128,1 (9,038)	50,54 (5,125)	172,5	41,62 (1,921; 1,099)	CG 23,69

Res	N (HN) pH 5.0	N(HN) pH 7.0	CA(HA/QA/HA1/HA2)	CO	CB(HB/QB/HB2/HB3)	Others
T52	119,5 (8,873)	119,4 (8,882)	59,30 (4,923)	170,2	67,42 (3,848)	CG2 19,13 (QG2 0,833)
N53	126,0 (9,188)	125,8 (9,195)	49,45 (4,620)	172,6	36,70 (3,471; 2,491)	ND2 112 (7,669; 6,435)
K54	125,9 (8,900)	125,9 (8,907)	52,98 (4,257)	173,5	28,39 (1,867)	CG 21,54
S55	117,4 (8,492)	117,2 (8,504)	54,44 (4,761)	169,5	64,74 (4,128; 3,833)	
D56	116,3 (8,260)	116,2 (8,266)	51,44 (4,496)	172,0	38,22 (2,703; 2,589)	
Q57	117,8 (7,592)	117,6 (7,589)	49,66 (4,804)	170,1	28,09 (1,683; 1,936)	NE2 112,8 (7,359; 6,739); CG 30,45 (HG2 2,220; HG3 2,258)
P58			59,74 (4,205)	173,9	29,68 (1,537; 2,068)	CD 48,44 (QD 3,620); CG 24,70 (QG 1,923)
I59	123,2 (8,261)	123,1 (8,275)	57,26 (3,997)	171,1	39,19 (1,333)	CG1 24,39; CG2 14,93 (QG2 0,651)
K60	129,4 (8,954)	129,4 (8,975)	52,47 (4,744)	172,6	30,79 (1,393; 1,18)	CG 22,22
L61	125,1 (9,223)	125,1 (9,223)	51,19 (4,627)	173,8	40,68 (1,846; 1,073)	CD1 19,86; CD2 20,02 (QD2 0,496); CG 23,06 (HG 0,642)
V62	112,3 (8,857)	112,0 (8,864)	57,92 (4,835)	173,5	31,31 (2,364)	CG1 19,20 (QG1 0,893); CG2 15,69 (QG2 0,658)
G63	107,7 (7,543)	107,6 (7,531)	42,51 (3,911; 4,181)	167,4		
A64	121,2 (8,561)	121,0 (8,556)	47,23 (5,277)	172,2	20,05 (0,831)	
A65	121,0 (8,611)	120,9 (8,593)	48,54 (4,611)	173,1	20,19 (1,232)	
T66	117,5 (8,482)	117,4 (8,557)	55,74 (4,987)		- (4,643)	CG2 17,03 (QG2 0,887)
P67			61,15 (4,455)	174,9	29,38 (2,293; 1,859)	CD 49,04 (HD2 3,719; HD3 3,883); CG 24,35 (QG 1,924)
L68	117,1 (7,618)	116,9 (7,610)	52,20 (4,108)	172,9	40,10 (1,481; 1,404)	CD1 20,81 (QD1 0,687); CD2 22,14 (QD2 0,749); CG 24,72 (HG 1,535)
A69	118,9 (7,471)	119,0 (7,490)	47,50 (4,873)	172,6	18,97 (0,889)	
T70	118,0 (8,420)	117,7 (8,417)	63,18 (3,981)	173,6	66,47 (4,200)	CG2 19,12 (QG2 1,200)
S71	113,7 (8,159)	113,6 (8,175)	52,09 (4,989)	168,5	61,56 (3,728; 3,471)	
M73	121,9 (9,122)	122,1 (9,144)	51,91 (4,750)	171,8	34,94 (1,973; 1,751)	CG 28,79 (QG 2,417)
L74	122,5 (8,795)	122,3 (8,705)	51,89 (4,351)	172,6	37,85 (1,933; 0,779)	CG 23,99 (HG 1,491)
M75	119,7 (8,185)	120,5 (8,290)	50,70 (5,130)	171,5	35,23 (1,469; 0,706)	CG 30,49 (QG 2,099)
T76	113,5 (8,657)	112,8 (8,614)	57,56 (4,949)	170,8	67,81 (3,832)	CG2 16,77 (QG2 0,866)
T77	120,2 (7,523)	119,1 (7,508)	59,26 (4,864)	171,7	67,45 (3,818)	CG2 18,95 (QG2 0,987)
T78	118,2 (8,414)	118,3 (8,481)	57,34 (4,398)	171,2	67,51 (4,071)	CG2 18,84 (QG2 0,902)
H79	118,6 (8,602)	119,0 (8,520)	52,89 (4,942)	172,0	27,33 (3,168; 2,889)	(HD2 6,92) (NE2 177,57) (HE1 7,98) (ND1 205,09)
S80	117,3 (8,146)	117,3 (8,167)	55,46 (4,444)	173,1	60,90 (3,714)	
G81	115,0 (8,958)	115,6 (8,910)	43,58 (3,794; 3,860)	172,5		
G82	108,2 (8,438)	107,8 (8,442)	42,60 (3,982; 3,717)	171,4		
M83	120,0 (7,756)	119,8 (7,724)	51,84 (4,535)	172,6	31,24 (1,945)	CG 29,21 (QG 2,435)
A84	126,7 (8,446)	126,6 (8,429)	49,00 (4,570)	175,0	16,89 (1,226)	

Res	N (HN) pH 5.0	N(HN) pH 7.0	CA(HA/QA/HA1/HA2)	CO	CB(HB/QB/HB2/HB3)	Others
G85	110,2 (8,041)	110,2 (8,142)	42,01 (4,196; 3,579)	170,6		
M86	119,0 (8,304)	119,3 (8,308)	52,15 (5,262)	172,4	33,06 (1,961; 1,853)	CG 29,38 (QG 2,481)
K87	121,1 (8,529)	121,5 (8,596)	51,97 (4,530)	171,7	33,44 (1,534)	CE 39,39 (QE 2,722); CG 21,15 (QG 1,123)
M88	124,8 (8,548)	124,7 (8,455)	53,74 (4,723)		30,21 (1,879)	CG 29,42 (HG2 2,582; HG3 2,438)
V89	118,1 (7,782)	118,0 (7,837)	54,40 (4,596)		30,48 (1,761)	CG2 15,74 (QG2 0,350)
P90			60,96 (4,18)	173,7	28,49 (1,491; 1,893)	CD 47,43 (HD2 3,287; HD3 3,331); CG 23,93 (QG 1,477)
W91	110,4 (6,463)	110,3 (6,450)	52,93 (5,217)	172,0	27,59 (3,474; 2,749)	(HD1 6,749); NE1 130,0 (HE1 10,01) (HE3 7,225); (HH2 7,103); (HZ2 7,384); (HZ3 7,022)
L92	117,6 (8,557)	117,3 (8,524)	50,93 (4,741)	173,2	44,22 (1,345)	CG 24,14 (HG 0,689)
T93	119,5 (8,874)	119,4 (8,882)	59,35 (5,015)	171,3	67,27 (3,858)	CG2 19,20
I94	127,3 (9,607)	127,1 (9,621)	55,45 (4,532)	171,6	35,87 (1,792)	CG2 17,56 (QG2 0,856)
P95			59,86 (4,099)	174,3	30,17 (1,633; 2,310)	CD 49,07 (HD2 3,249; HD3 3,988); (QG 1,914)
A96	124,8 (8,512)	124,5 (8,523)	50,77 (3,493)	174,8	15,92 (0,996)	
R97	118,1 (8,054)	118,0 (8,050)	54,29 (4,022)	173,0	25,14 (1,863; 1,785)	CD 40,39 (QD 2,943); CG 22,69 (QG 1,366)
G98	106,7 (7,594)	106,5 (7,583)	42,14 (4,675; 3,441)	169,6		
T99	112,6 (8,255)	112,6 (8,279)	58,17 (5,397)	171,0	69,99 (3,680)	CG2 19,16 (QG2 0,958)
L100	127,0 (9,217)	127,1 (9,237)	51,35 (4,727)	171,6	43,83 (1,735; 1,472)	CG 25 (HG 1,527)
T101	126,0 (9,098)	125,9 (9,099)	60,10 (4,507)	170,5	66,48 (3,921)	CG2 19,01 (QG2 0,985)
L102	128,7 (9,122)	129,0 (9,136)	51,32 (5,173)	174,0	38,54 (2,309; 1,773)	CD1 22,23; CD2 21,88 (QD2 0,731); CG 25,00 (HG 1,562)
Q103	120,6 (9,001)	120,8 (9,116)	51,51 (4,336)	171,8	28,51 (1,788; 1,907)	NE2 112,3 (7,431; 6,782); (QG 2,211)
R104	121,8 (7,803)	121,2 (7,648)	56,22 (3,300)	174,1	27,04 (1,254; 1,205)	CD 40,67 (HD2 2,942; HD3 2,882); CG 23,70 (QG 1,266)
D105	119,0 (8,511)	119,0 (8,506)	51,80 (4,532)	172,4	37,59 (2,544; 2,777)	
G106	108,2 (7,478)	108,5 (7,600)	42,41 (4,645; 3,748)	172,6		
D107	131,5 (9,456)	130,8 (9,343)	52,17 (5,246)	173,1	39,27 (2,594)	
H108	112,4 (9,152)	113,6 (9,091)	53,93 (4,780)	169,1	26,21 (3,777; 3,066)	(HD2 6,89) (NE2 181,44) (HE1 7,82) (ND1 212,30)
V109	118,0 (7,419)	116,8 (7,414)	58,05 (4,385)	173,0	30,53 (1,769)	CG1 18,35; CG2 18,43 (QG2 0,482)
M110	127,5 (9,401)	127,1 (9,285)	50,69 (5,080)	172,0	31,37 (1,601; 1,987)	CG 30,08 (QG 2,406)
L111	128,1 (9,482)	128,1 (9,432)	50,62 (3,910)	170,8	37,36 (0,728; 1,721)	CD1 21,22 (QD1 0,420); CD2 22,93 (QD2 0,503); CG 23,96
M112	120,4 (6,296)	120,6 (6,291)	51,39 (4,887)	174,2	29,27 (1,921; 2,175)	CG 29,66 (QG 2,456)
G113	115,4 (8,890)	115,4 (8,887)	44,79 (3,643; 3,820)	173,7		
L114	123,7 (9,458)	123,6 (9,469)	52,76 (4,381)	177,3	40,09 (1,452; 1,353)	(QD1 0,645); CG 24,19 (HG 1,579)
K115	122,3 (8,605)	122,2 (8,607)	54,91 (3,877)	173,2	30,88 (1,879; 1,393)	CD 26,49; CE 39,53 (HE2 2,763; HE3 2,639); CG 23,27 (HG2 1,346; HG3 1,212)
R116	113,7 (7,618)	113,5 (7,626)	50,78 (4,601)	169,0	25,89 (1,480)	CD 39,23 (QD 2,696)

Res	N (HN) pH 5.0	N(HN) pH 7.0	CA(HA/QA/HA1/HA2)	CO	CB(HB/QB/HB2/HB3)	Others
P117			59,85 (4,366)	174,9	29,35 (2,193; 1,633)	CD 47,80 (QD 3,628); CG 24,59 (QG 1,855)
L118	123,7 (8,717)	123,6 (8,727)	50,88 (4,347)	174,4	41,06 (1,628; 1,202)	(QD1 0,617); CG 23,85 (HG 1,707)
K119	125,1 (9,551)	125,0 (9,582)	51,80 (4,421)	173,7	31,12 (1,464; 1,564)	CD 26,72; CE 41,77; CG 21,86 (QG 1,257)
V120	124,2 (8,456)	124,1 (8,481)	63,16 (3,165)	174,8	28,41 (1,826)	CG1 20,16 (QG1 0,843); CG2 19,71
G121	115,9 (8,897)	115,8 (8,890)	42,11 (4,367); 3,485)	171,9		
E122	121,1 (7,973)	121,0 (7,977)	53,49 (4,494)	171,6	28,20 (1,804; 2,300)	CG 33,63 (QG 2,716)
T123	117,3 (8,500)	117,1 (8,511)	59,33 (4,824)	171,8	67,20	
V124	128,4 (9,298)	128,3 (9,311)	57,81 (4,338)	171,4	31,06 (1,689)	CG2 18,11 (QG2 0,562)
N125	125,2 (8,533)	125,0 (8,512)	50,65 (5,350)	172,7	36,78 (2,445; 2,618)	ND2 112,5 (6,634; 7,307)
I126	128,1 (9,454)	128,1 (9,460)	57,50 (4,396)	171,8	39,03 (1,419)	CD1 11,47 (QD1 0,357); CG2 14,28 (QG2 0,529)
T127	124,6 (9,363)	124,5 (9,383)	59,32 (5,045)	172,4	67,28 (3,811)	CG2 19,02 (QG2 1,017)
L128	128,4 (9,303)	128,3 (9,302)	50,74 (4,979)	172,5	41,17 (1,657; 1,239)	CG 24 (HG 1,548)
K129	120,9 (8,165)	120,8 (8,183)	52,28 (4,774)	172,5	32,99 (1,475; 1,409)	CD 26,82 (QD 1,414); CE 39,07 (QE 2,692); CG 21,87 (QG 1,028)
A130	126,1 (8,608)	125,9 (8,604)	47,95 (5,529)	177,6	20,06 (1,467)	
T131	112,5 (8,231)	112,4 (8,255)	61,69 (3,847)	171,9	66,13 (4,072)	CG2 20,61 (QG2 1,141)
D132	116,6 (7,122)	116,4 (7,101)	50,44 (4,494)	174,3	38,24 (3,022; 2,441)	
G133	107,5 (7,816)	107,4 (7,819)	42,37 (4,271; 3,409)	172,0		
R134	120,3 (7,729)	120,3 (7,744)	54,79 (4,395)	173,4	29,64 (1,410)	(QD 1,964); CG 24,58 (QG 1,510)
T135	107,5 (8,105)	107,3 (8,110)	56,60 (5,401)	171,6	70,83 (3,954)	CG2 18,92 (QG2 0,982)
L136	120,5 (8,573)	120,3 (8,579)	51,09 (4,686)	171,9	45,12 (1,524; 1,295)	CD1 21,12 (QD1 0,938); CG 24,21 (HG 0,546)
N137	126,2 (8,921)	126,0 (8,931)	50,75 (4,976)	171,4	36,76 (2,532; 2,461)	ND2 112,9 (7,405; 6,736)
V138	126,5 (9,162)	126,5 (9,178)	59,03 (3,953)	171,1	31,41 (2,046)	CG1 18,36 (QG1 0,760); CG2 18,44 (QG2 0,721)
A139	131,7 (8,477)	131,6 (8,494)	47,95 (4,539)	172,7	15,27 (1,116)	
A140	128,4 (8,612)	128,3 (8,605)	47,58 (4,447)	173,1	18,97 (0,976)	
T141	118,0 (7,671)	118,0 (7,688)	59,43 (4,828)	172,3	67,92 (3,751)	CG2 19,05 (QG2 1,036)
V142	127,9 (8,654)	127,8 (8,645)	59,82 (4,682)	173,9	28,05 (2,268)	CG1 19,05 (QG1 0,576); CG2 20,52 (QG2 0,791)
K143	129,6 (8,763)	129,6 (8,781)	52,21 (4,706)	172,9	34,37 (1,769; 1,461)	CE 39,34; CG 22,24 (QG 1,326)
K144	124,4 (8,827)	124,3 (8,842)	53,99 (4,240)	173,2	30,78 (1,714; 1,577)	CD 26,37 (QD 1,570); CE 39,32; CG 22,20 (QG 1,302)
N145	121,9 (8,620)	121,7 (8,629)	50,52 (4,638)	172,5	36,39 (2,728; 2,656)	ND2 113 (7,583; 6,906)
I146	122,1 (8,238)	121,9 (8,260)	58,59 (4,035)	173,6	35,86 (1,775)	CD1 10,56 (QD1 0,746); CG1 19,68 (QG1 0,774); CG2 14,9
E147	124,5 (8,437)	124,4 (8,462)	53,99 (4,158)	174,2	27,50 (1,942; 1,830)	CG 33,41 (QG 2,142)
G148	110,3 (8,257)	110,2 (8,282)	42,69 (3,803)	170,6		
R149	125,5 (7,722)	125,5 (7,736)	54,50 (4,062)	178,4	28,64 (1,721; 1,576)	CD 40,44 (QD 3,050); CG 24,41 (QG 1,439)