

Supplementary Table S2

Median values (n=10) of gene counts (nCounter)

Gene	Median value	Median value
name	CD27-IgD- B cells	CD27+IgD- B cells
CD74	35908,9	34650,1
HLA-B	18297,4	18033,0
B2M	16931,7	20686,9
HLA-A	12308,1	11375,5
MX1	9600,5	11776,7
HLA-DRA	8924,1	11051,0
IFITM1	6695,0	7798,4
HLA-C	6478,2	4597,9
HLA-DRB3	4736,5	4589,6
CXCR4	4326,2	3087,0
MS4A1	3898,4	5551,7
STAT1	3788,6	4110,8
STAT2	3450,5	3015,5
CD79A	3401,4	3681,8
HLA-DPA1	3210,3	4203,3
BANK1	2955,3	4871,9
STAT6	2931,6	2802,5
PTPRC_all	2657,3	3593,7
IRF7	2536,8	2590,6
CD83	2280,5	1161,3
IFIT2	2254,5	2853,5
CCL4	2176,5	522,3
CD48	2168,9	2198,0
PML	2083,6	1962,7
ARHGDIB	1981,5	2340,3
IFI16	1953,7	2227,0
TNFSF10	1897,6	1892,0
HLA-DPB1	1778,6	2361,9
CCR7	1750,6	1016,4
MCL1	1732,7	2299,3
PSMB9	1728,4	1900,4
CD79B	1710,8	2131,3
CD53	1695,0	2497,6
PARP9	1523,7	1734,0
CD19	1485,8	1887,0
IRF8	1400,9	1017,7
SELL	1367,4	1526,7
TNFRSF13C	1319,7	2084,4
PSMB8	1240,7	1331,5
TAP1	1217,9	1263,0

ILF3	1184,8	1143,3
IL2RG	1181,2	1083,5
HLA-DMB	1124,7	1315,4
BTLA	1120,4	589,6
IL32	1099,8	1233,4
BCL2	1089,7	1025,6
CD22	1081,4	1174,2
IRF9	1069,3	1083,5
JAK2	1039,7	1007,0
TGFBR2	1038,6	834,9
BAX	1015,8	951,5
PSMB10	1009,5	964,1
IRF4	952,6	661,3
RASGRP3	929,9	867,1
HLA-DMA	923,3	961,1
CD45RA	920,5	1627,8
MAP4K4	910,5	800,0
CTSS	879,2	1038,2
PTPN6	869,1	753,0
TAP2	854,8	781,2
TAPBP	830,1	975,4
IFIH1	825,2	827,8
NFKB2	811,3	507,3
CD81	792,9	945,3
IRF1	786,1	785,2
CTNNB1	755,9	784,4
JAK1	754,7	916,6
MIF	753,1	569,1
HLA-DQA1	739,7	899,0
STAT3	730,2	805,7
GBP1	717,7	651,9
MYD88	706,4	772,9
TGFB1	706,0	727,6
CD44	695,7	922,1
SOCS1	674,8	764,8
PTPN1	673,5	971,4
IKZF3	668,8	1484,0
NFKBIA	657,6	439,6
PAX5	646,5	649,8
TP53	628,3	563,3
TCF4	612,7	929,1
C14orf166	607,6	557,0
CD40	598,8	620,8
ITGA4	588,6	538,7
VH4-34	586,7	228,6
IFI35	579,0	528,7

IL16	536,0	643,0
BST2	529,7	639,4
POU2F2	523,3	701,2
GPI	513,4	352,0
CD24	510,8	1503,4
MAPK1	501,9	497,9
IL4R	500,9	105,4
C1QBP	500,8	436,0
HLA-DOB	498,5	723,3
CD164	478,3	432,2
BLNK	477,7	504,0
BLK	467,8	786,3
NOTCH2	465,1	458,7
CD46	449,9	492,6
LAMP3	449,7	224,0
ICAM3	430,5	573,6
SLAMF1	428,2	200,4
FCGR2B	425,3	673,8
CASP8	412,4	487,4
TLR7	411,8	389,6
IFNAR2	409,8	457,7
MALT1	403,0	355,4
ETS1	400,4	513,3
IL10RA	400,3	685,3
CD99	395,9	466,8
LITAF	395,5	271,6
SMAD3	385,6	258,4
BCL10	384,4	415,0
SKAP2	373,6	499,5
SYK	372,3	579,2
IKZF2	367,1	36,9
MAP4K2	360,4	372,5
TAGAP	359,5	417,6
RELA	358,3	326,3
CASP2	345,3	342,2
MAPKAPK2	344,5	323,5
BCAP31	343,5	341,9
BTK	341,9	375,1
TBK1	341,4	417,2
PSMD7	331,3	309,5
IRAK1	318,5	283,3
CCR6	317,6	424,1
PSMB7	311,1	272,7
PTPN11	310,1	284,5
MAPK14	305,4	248,1
PTPN2	291,6	345,7

MAP4K1	277,3	460,8
TNFSF13B	274,7	240,9
CD97	273,5	291,9
NFATC1	268,5	221,2
IRF5	266,8	242,3
S1PR1	265,8	270,5
NFATC3	265,3	209,7
TRAF4	265,0	244,8
LAG3	264,1	216,4
IFNGR1	263,6	264,5
CCL22	263,2	144,0
TNFAIP3	262,6	190,7
CYBB	256,6	360,3
BACH2	256,3	157,2
IL6ST	252,6	181,9
CCND3	252,3	149,6
TLR1	250,9	330,8
ICAM2	249,2	111,6
PSMB5	248,1	196,6
CXCL10	247,9	216,5
NCF4	246,0	455,5
GBP5	244,3	248,4
TYK2	243,6	272,3
CCL3	243,1	106,9
IL13RA1	238,9	143,0
LTA	237,4	171,3
TRAF5	235,8	393,8
PRKCD	232,7	341,4
CD59	229,2	226,9
TRAF2	228,5	224,0
PECAM1	227,6	315,7
JAK3	221,1	284,3
NFATC2	219,6	286,4
CHUK	215,7	199,1
CD58	214,2	225,8
TNF	211,3	283,8
PDCD2	207,5	188,7
IKBKB	205,0	228,7
TNFRSF14	201,3	211,8
TRAF3	200,0	267,7
TFRC	197,3	247,5
NFKB1	190,9	125,1
RAF1	184,6	232,5
HLA-DQB1	179,1	194,7
LILRB1	176,5	165,1
IKBKG	176,2	170,0

CIITA	175,9	188,8
GPR183	175,6	571,2
CASP1	175,6	290,8
ITGB1	174,5	487,7
STAT5A	172,7	168,6
NFKBIZ	172,0	261,4
BCL3	166,1	206,9
CUL9	165,2	190,6
IRAK4	164,7	188,9
TRAF1	163,0	104,8
TNFRSF17	162,9	188,5
PTK2	161,6	193,0
IL21R	154,7	33,4
ENTPD1	153,8	160,4
FYN	153,6	153,3
CD45RB	152,1	82,3
CTSC	151,6	179,1
ITGB2	151,2	98,9
STAT5B	147,8	219,1
LCK	146,9	143,7
IGF2R	142,4	110,9
APP	142,3	105,3
ICOSLG	142,0	59,0
PSMC2	141,4	157,9
NT5E	141,4	89,9
IKBKE	141,2	238,6
ITGAE	141,1	109,4
TICAM1	138,8	154,2
NOD1	136,4	141,4
STAT4	134,3	99,5
CASP3	131,4	104,3
TNFRSF1B	130,5	165,5
BCL6	127,9	101,1
CD70	127,0	262,8
IRF3	126,7	141,6
TRAF6	126,7	121,9
TGFBR1	125,3	139,6
BATF3	124,8	56,8
FKBP5	124,3	125,0
TNFRSF13B	122,8	832,9
XBP1	119,8	205,7
IL15	119,7	116,5
TLR9	117,6	279,0
ZEB1	116,7	157,1
IKZF1	114,2	167,6
ATG16L1	113,2	109,9

IL12RB1	110,6	122,4
TOLLIP	110,4	111,9
ITGAL	109,1	193,4
RELB	101,5	87,3
ATG5	100,8	121,6
BCL2L11	100,3	93,0
SKI	97,7	132,5
UBE2L3	96,1	99,4
RARRES3	94,8	80,6
PTGER4	93,0	65,6
PLCG1	92,8	136,2
THADA	92,0	106,1
SLAMF6	90,9	65,6
SLAMF7	90,6	121,3
ATG7	87,8	97,4
CSF2RB	85,1	133,5
RUNX1	84,6	59,2
ABCB1	82,6	30,2
GZMB	81,6	27,5
FCGRT	80,2	87,8
BID	79,7	55,3
CD96	79,5	52,7
SMAD5	79,4	96,0
S1PR4	79,4	99,6
ABL1	78,3	82,1
TNFSF12	76,6	112,8
NOTCH1	74,9	77,9
CD82	68,7	129,9
SRC	68,6	86,0
MBP	68,0	98,6
CD274	66,6	65,9
BATF	65,9	96,0
LAIR1	64,2	33,9
CD80	60,7	127,6
AHR	59,9	78,7
IKBKAP	59,6	51,3
LCP2	57,9	49,7
ATG12	56,4	51,5
CDKN1A	55,3	58,5
TCF7	55,2	178,8
LY96	55,0	91,4
TBX21	54,8	69,3
CXCR3	53,4	108,2
NOD2	52,9	74,8
PYCARD	52,8	85,4
ICAM1	52,5	56,5

CD86	52,0	95,6
ATG10	50,5	48,6
EGR1	50,3	62,8
IRAK2	48,8	60,0
MR1	44,3	55,6
SIGIRR	43,9	53,9
ADA	41,3	92,0
IDO1	40,9	60,7
CCR1	38,4	119,1
CD300a	35,8	80,9
PRDM1	32,9	90,2
IL2RB	28,0	51,7
CEACAM1	27,8	55,2
CD6	27,2	51,2
IL2RA	21,0	87,3
FCGR2A/C	20,8	106,1
CD27	18,4	688,0
HLA-DRB1	8,9	153,7

