 Nucleic Acids Research, 2001, Vol. 29, No. 12 **1–2**

SUPPLEMENTARY MATERIAL

Table S1. *In vitro* selection for high-affinity RNA binding sequences of mouse Dazl

7 round sample
UCGUUCUAAGUUUAUCAUAGA
UUGUGUAGUCCAAGUUAUGUA
UUUCCCCAGUAAAGUUUGAUU
UUGGCUCUCUGUCGUUUUGA
UUUGGCUCCAUUGGUUGUGU
UCGCCCAUUGUUUUUGUUAGA
UGCUGUGCUGUUGUAGUUUA
UAGCCCACAUGUUUU**G**UUUUA
UUGUUUGCCUGUUAGUAGUUA
GUGCUUGUCAAGUUU**G**UUUU
UGUCAUUAGUUUCGUAGUUUA
UUCUCUUCGCCUUGUUUUUA
UUUCGUUUUGUGUUUAGUUUA
UUUUUCGUUCUUGUUU**G**UUU
UUU**G**UUUUCGGUUUU**G**UUUUA
9 round sample
UUGCCUGUUGCAAGUCGGUUA
UCCUGUUGUUCCCAGUUGUAA
UUGCCUGUUGCAGUGUUGUAA
UUGCAGGCUCCUUGUUGGUUU
UGCCUGUUGCUUGUUGUUUA
UCCUGGUCCAUUCGUUUAAUU
UUCGGUCUGUUAUAAGUUUAA
UUAGUUUGUACGUUCAGUUUA
UUAGUGUCAUUAGUUUAGUUGA
CUUUUGUGUGGUGUCCGGGAA
UGGUCCUGUUCGUUAGUUUA
UUUGUUGUUUCGUUUAGUU
UUGGUUUUUGCUGUUGUUUGA
UUGUGUUGUCCGUUUUU**G**UUUU
UUUGGUUUAGUUUUAGUUUUA
UGUUAGGUUUU**G**UUUU**G**UUUU

Samples of Dazl-binding sequences were taken after seven and nine rounds of selection. Residues flanked by three Us on either side are shown in bold.

Table S2. Genetic screening for high-affinity RNA binding sequences of mouse Dazl by a yeast three-hybrid screen

1.	UGAGAUUUUU	UU**G**UUUUUUU	**G**UUUUUUGGU	UUUUUU**G**UUU	U**G**UUUU**G**UUU	UUAUUGGUUU	GAUGUUUUUC
2.	GUUUGAUCCC	AAUUCCUGGG	CCUAGGUUUG	GUUUGGUUU**G**	UUUGUGUGUG	UUUGUGUGUG	UUUUCCUCCU
3.	UUU**G**UUUUU**G**	UUUUUUAAUU	CUGUUGUUUU	UCUGUCCCUC	UUUUCUAAUC	UUUCUUAUGU	CCUUCUGUCC
4.	AUUUGGAGUU	CUGCAUGCUU	CUUGUAUGUU	CAUGGACAUC	UCUUUCAUUA	GGUUAGGAAA	GGUUU**C**UUUU
5.	UCAUUUUCCA	CGUUUUUCAG	UGAUUUUUUC	AUUUUUCAAG	UCGUCAAGUG	GAUGUUUCUC	AUUUUCCAUG
6.	AUUUGUUGUU	GUUUUUUU**G**U	UUU**G**UUUU**G**U	UUUUU**G**UUUU	UUUGGCAAAG	GAGUCCCAAU	AUUAAGUUAA
7.	UUGAUUUUCU	ACUUUUAUAU	UUUGUUGUGU	UUUUAUUUCU	ACUAUAAUCC	AUUAGUCUUU	UU**G**UUUUCGG
8.	UUUGUGUUUU	GAGUUUUCUG	GUUUUUUGUG	CUGUUU**C**UUU	UUUAAAUUCU	GGGUUGUUUG	CCUGUUUUCU
9.	UUAUUUUUCU	AUGUUUGAAU	UCACCAUUCU	UUU**C**UUUUCA	UGGCUUUUGG	AUCUCUUCCA	UGGUUUCUAG
10.	UGCUUU**C**UUU	**C**UUU**C**UUU**C**U	UU**C**UUU**C**UUU	**C**UUU**C**UUU**C**U	UU**C**UUU**C**UUU	**C**UUU**C**UUU**C**U	UU**C**UUU**C**UUU
11.	AUUUGAGUUA	AUUUUAUUCU	UUU**A**UUUUGU	UAUUAGAUAU	UUU**C**UUU**C**UU	UACAUUUCAA	AUGUUAUCUC
12.	GUUUU**C**UUUU	**G**UUUU**C**UUUU	U**G**UUUUGUUC	UGUUUUUUGA	GGUAUAUGUG	UGCUUCUUAG	CUUU**G**UUUAC
13.	UCUUU**C**UUUU	**C**UUUCCUUU**C**	UUU**C**UUUCUC	UGUCUUCUUU	**G**UUU**C**UUUGU	UUCUUU**G**UUU	**C**UUU**C**UUU**G**U
14.	CCCUUU**C**UUU	**C**UUUCUCUUU	**C**UUUCCUUUU	**C**UUUCUAUCU	UUUU**C**UUUCU	AUCUUUCUUC	CUUCCUUCCC
15.	UUUUAAAGAU	UUUUUUUUAA	AUUUCACAUU	UUUUUUAAGC	AGCAAAUUUU	UU**G**UUUUUU**G**	UUUUUUUUAA
16.	AGUUGUUUUU	UUGUGUUUUG	GGUGUUGUUG	UUUGUUCUGU	UUUUU**G**UUUU	UGUCUGUUUU	U**G**UUU**G**UUUG
17.	CUUUU**G**UUUU	**G**UUU**G**UUUGA	UUGUUUU**G**UU	UUGUGUGUUU	CAAGCUUU**C**U	UUU**A**UUUAUA	AGAUUUUUUU
18.	UUGGUUUGAU	UUUGGUUUGA	GUUUUGAUUA	CUUUAGUUAU	UUGGUUUUUC	UUGUUUUCAU	UCAAAGUUUU
19.	ACUUUCCUUC	UUUUUU**G**UUU	U**C**UUUUAUUG	UAUUUUGUUU	AUGUUUUAAA	UGUAUGUUCU	UAUUGGUUCU
20.	UUUAUGUUUG	UCUUUAUGUU	UUUCUGAGCU	GCCAUCUUUG	UGUUUGGUUU	UCUCUUUCUC	UUUGUGUUU**C**
21.	AAUUU**G**UUUU	UAUAUUUUAC	UAUUUUUUUG	UAUUUUUUUG	UUGUUUUAAA	UCAAGUUAUC	UAGGACUAGC
22.	UCCAUGCCUU	CAGCUUAAUU	U**C**UUU**C**UUUU	U**C**UUU**C**UUUU	UUUAUUAAUC	AUUUUAUUCG	UUUACAUUUC
23.	CUUCUUUUU**G**	UUUU**G**UUUU**G**	UUUU**G**UUUUU	**G**UUUUUUUUU	UCUGUUUUU**G**	UUUUUU**G**UUU	UUUUUGAAAC
24.	GAGGCUCUAU	AUUCUGCAAU	UGCGUUUCAA	GUCUGCUUGA	UUUUUUUCAU	GUUUUU**C**UUU	UUCUCUUUUC
25.	UUUGGGUUUU	**C**UUUAUUGUG	UCUACUUCCC	CUUUUAGUUC	UAGUAUGGUU	UUGUUCAUUU	CCAUCACCUG
26.	UUUU**G**UUUUU	UUUUCUGAGG	UUGUUAUUGU	UUUUUGGUUU	UU**G**UUU**G**UUU	**G**UUUUU**G**UUU	UUGGUUGGAA
27.	UGUUUUUU**G**U	UU**G**UUUUUGU	UCUUGUUUUU	**G**UUUU**G**UUUU	UGUUAAAUGC	UUUUUUUUUA	UAUGGAAAGG
28.	AGGAGUUUUU	UAUGUUUUGA	AUUUU**C**UUUC	ACAUUUGUGU	CAAUGUUUUC	UAUUGUAUCU	UCUACACCUG
29.	UUAUUUAUAU	GUCAACUAAU	UAGUUUU**C**UU	U**C**UUU**C**UUU**C**	UUU**C**UUU**C**UU	U**C**UUU**C**UUU**C**	UUU**C**UUUCAA
30.	UCUUUAUUUU	AUUGUUU**C**UU	UUGCUGCAUG	UAAGACAUUU	UGAAUUGAUG	CAAUCCUGUU	U**G**UUUUUUUU
31.	AUCACGACUC	UAGCCAAAUC	UCACAAUGUU	UU**A**UUUUUCU	GUUUUAUUUA	UGUUGGAAGG	UUUUCUGUCA
32.	CUUUGAUUUU	U**G**UUUCUUCA	CCCGUUU**C**UU	CUUCUUCUAC	UUCUUCAACA	UCUUCCAAAU	CUUGAUCAAG
33.	UCCUUCUUUU	UGUCCUUUUU	GUUCUUUUCU	UCCUUUUUGU	CCUUUUCCUC	CUUU**G**UUUCC	UUUAAGUCCU
34.	CUGCUUUUAU	AUGUUAUUUG	ACAUUUUUCC	CUUACUGCUU	UUAAUGUUCU	UUUUGAUUGU	UU**G**UUUU**G**UU
35.	UAGGUUUGUU	GAAUGAUUAC	UUUCUUGAUC	UUUCUAUGGC	GAGGUUUUUG	UCCUUGUAUU	GUUUUUUUUU
36.	UUGUUCAAAU	UUUUAAAGGU	UAUAUUUUGG	UAUUU**C**UUUU	ACUUU**C**UUUC	AGUCUCUUUU	UUUUUCCUUG
37.	UUUGCUGUUU	**C**UUUUU**G**UUU	UUAUUAAUUU	UGGUUUUAGU	UUGGUUUUAC	UUAUUAUGUC	AUUGAGGUAC
38.	CUUUUAGGUU	UGUUGAGGGA	UUACCUUCUU	GUUUUUUCUA	GGGCGUUGUU	CCCGUUCUUG	UAUUGGUUUU
39.	UGUUUCUCAU	UUUGAACGUU	UUUCAUUGUU	UCUUGCCAUA	UUCCAGGUCC	UACCCUCUGA	GUUUCUCAUU
40.	CUUUU**C**UUU**C**	UUUCCUUUUU	UUGCUUCUUU	CCUUAUUUUU	UU**C**UUUCCUU	CCUGGCUUCA	UUUAUUUUUU
41.	UCGACUUUGU	GUUUUUGCUU	GUAUAUUAUG	GUUCUCGACU	UUGUGUUUUC	AGGGUUUUGU	UCAUGUGUGU
42.	U**G**UUUUUGUU	GUUUUUU**G**UU	U**G**UUUU**G**UUU	U**A**UUU**A**UUU**G**	UUU**C**UUUCUU	AAAACAUUUU	UAUUGAUUCU
43.	AAUAAAAUAG	UUUU**A**UUUUG	CUUUCUUGUU	GUUUU**G**UUU**G**	UUU**G**UUU**G**UU	U**G**UUU**G**UUU**G**	UUUGAGACAG
44.	GGGAUUCCUG	UUU**G**UUU**G**UU	UGUCUGUUUG	UUAGUUUUUA	UCAUUUCCUU	CUAAUGUUUG	AUUUGGUUUU
45.	UUCAGGUUGU	UUUUUGGUUU	UGCUUUGGUU	UUUUUUUUUU	UUUCUGUUUU	GGUUUUAAAC	CAUCCUGGAU

Seven contiguous blocks of 10 nt containing the highest U content were selected for presentation. The first 45 strongly binding sequences sequenced are shown, sequence no. 45 corresponds to PRL-1 tyrosine phosphatase. Residues flanked by three Us on either side are in bold.