

Supplementary Table 1							
Tissue	Gene	Breed			Treatment		
		t	P	adj. P	t	P	adj. P
Hippocampus	<i>EGR1</i>				4,61	0,00	0,00
	<i>GR</i>	2,33	0,03	0,138			
	<i>AVP</i>						
	<i>AVPR1A</i>						
	<i>FKBP5</i>				3,20	0,00	0,02
	<i>MR</i>						
	<i>BDNF</i>						
	<i>CRHR2</i>						
	<i>CRH</i>						
	<i>CRHR1</i>	-3,44	0,00	0,018			
Hypothalamus	<i>POMC hnRNA</i>						
	<i>AVP hnRNA</i>						
	<i>GR</i>	3,75	0,00	0,007			
	<i>AVP</i>	3,65	0,00	0,007			
	<i>FKBP5</i>				2,45	0,02	0,10
	<i>AVPR1A</i>						
	<i>POMC</i>						
	<i>CRH</i>						
	<i>CRHR2</i>						
	<i>CRHR1</i>	3,43	0,00	0,009			
	<i>C-FOS</i>				5,10	0,00	0,00
	<i>EGR1</i>				4,43	0,00	0,00
	<i>TH</i>						
<i>BDNF</i>							
Pituitary	<i>AVPR1B</i>				2,06	0,05	0,12
	<i>POMC hnRNA</i>						
	<i>GR</i>						
	<i>EGR1</i>				-3,95	0,00	0,00
	<i>C-FOS</i>	2,32	0,03	0,081	-3,27	0,00	0,01
	<i>AVPR1A</i>						
	<i>POMC</i>	-3,85	0,00	0,007			
	<i>CRHR2</i>	2,25	0,03	0,081			
	<i>PC1</i>	-3,47	0,00	0,008			
	<i>CRHR1</i>				-4,62	0,00	0,00
Adrenal gland	<i>MRAP2</i>				2,85	0,01	0,02
	<i>MRAP1</i>				2,57	0,02	0,03
	<i>MC2R</i>				3,49	0,00	0,01
	<i>STAR hnRNA</i>				2,16	0,04	0,06
	<i>HSD3B2</i>	-2,86	0,01	0,034			
	<i>FOSL2</i>	-2,48	0,02	0,052	5,78	0,00	0,00
	<i>CYP11A1</i>	-4,61	0,00	0,001			
	<i>MC2R hnRNA</i>				2,32	0,03	0,05
	<i>DBH</i>						
	<i>STAR</i>				4,67	0,00	0,00
	<i>PNMT</i>	4,26	0,00	0,001			
	<i>TH</i>	-2,47	0,02	0,052	3,49	0,00	0,01
	<i>CYP11A hnRNA</i>	-2,27	0,03	0,067			

Results from linear regression with gene expression as response variable and breed and treatment as fixed predictors (gene expression ~ breed + treatment). The acquired P-values were adjusted for the total number of tests within each tissue using false discovery rate (FDR).